

>trans_s_1 Novel Gene

TATGGGACAAAAATAAATCCACTCGGTTTTAGACTTGGTGCAACCCAAGGGCATCATTCTCTGTGGTTTGAC
ACCCCAAAAAATATTCTGAAGGTTTACAAGAAGATCAAAAAATACGAGATTGTATCCGGAATTATGTACAAAA
AAACATGAGAATATTTCTGGTGTGAAGGAATTGCACGTATCGAGATTCAAAAAAGAATTGATCTTATTCAA
GTGATAATCTTTATGGGATTCCCAAAGTTATTAATAGAAGGTGGGTCTCGAAAAATCGAAGAATTACAGATGA
ATGTACAAAAAGAATTAAATTCTGGGAACCGAAAACTTAACATTGCTATTACAAGAATAGGAAACCCCTTATGG
ACACCCTAATATTCTCGCAGAATTTATAGCCGGACAATTAAGAATAGAGTTTCATTTGCAAAGCAATGAAAA
AAGCTATTGAATTAAGTGAACAGGCGGGTACAAAGGGAATTCAAGTACAAATTGCCGGACGTATAGACGGAA
AAGAAATTGCACGTGTGAATGGATCAGAGAAGGACGGGTTCCTCTACAAACCATTGAGCTAAAATTGATTA
TTGTTGCTATCCAGTTCGAACTATCTATGGGGTATTAGGCATTAATAATTTGGATATTTGTAGACGAGCAATAAT
AAGCCCTTACTCAACTTGTGTTTACGTTTTATTCAATGATCGACCAAGAAATGACAAATCAGTCTTTTTCGTTTA
AATAAAAAATGAGCAATTCTATAAGGTTAAATAAAAAATGAAATTAATCATTGAGATAATTGCTATGCTTAGTC
CCAAAAGAACCAGATTCCGTAAACACCATAGAGGAAGAATGAAAGGAATATCTTATCGAGGCAATAGTATTT
GCTTCGGGAGATACGCTATTCAGGCACTTGAACCCGCTTGGATCACATCGAGACAAATCGAAGCCGGACGAA
GGGCAATGACACGAAATGCACGACGCGGTGGAACAATATGGGTACGTATATTTCCGGACAAACCCGTTACAC
TAAGACCCACAGAAACACGTATGGGTTAGGGAAAGGATCCCCGAATATTGGGTAGCTGTTGTTAAACCAG
GTAGAATACTTTATGAAATGAGTGGAGTAGCCGAAAATATAGCCAGAAAAGCTATTTCAATAGCGGCATCCAA
AATGCCTATACGAACCCAATTCATTACTTCGGGATAGAAATGTAGAATCAAAGGAAAGCGATCTTTGAAATTC
TACTAAAAAAAACAATTGCAGATTTATTTTTTTTTTTTTTTTGA AAAACAATATTTCTTTTTTTTTTTTTTTTACT
TCGCCCTTTGCATTGAAAGAAAAGATTCCAAAATAATATGATTCAACCTCAAACCCCTTTGAATGTAGCAGATA
ACAGCGGAGCCCGAGAATTGATGTGTATTCGAATCATAGGGGCTAGTAATCGACGATATGCTCATATTGGTG
ACGTTATTGTTGCTGTAATCAAGAAAAGCCGTCCCAAATACACCTCTAGAAAGATCAGAAAGTATCAGAGCTGT
AATTGTACGTACTTGTAAGAAGTCAAACGAGAAAATGGTATGATAATACGATATGATGACAATGCTGCGGTT
GTTATTGATCAAGAAGGAAATCCAAAAGGAACTCGAATTTTTGGTGCGATTGCCCGAGAATTGAGACAGTTAA
ATTTCACTAAAATAATTTCAATAGCACCTGAAGTATTATAAAATGAGACAGACCGTGAGATAGTTATACTATTT
GAATGAAATTAATTAGTAGATTGTGTATCACGTATATACCTTTTAAATTCATAACTATTTAATAAAAAAAGAA
TGTTGATTAGATCAAAAAATTAAGTAACCAATAATTTTCGTTTATCATGGGTAAGGACACTATTGCTAACATAA
TAACCTCTATTCGAATGCTGACATGAATAGAAAAGGAATGGTTCGAATACCATCTACTAACATCACCAGAAAA
CATTGTTAAAATACTTTTACGAGAAGGTTTTATTGAAAACGTAAGGAAACATCGGGAAAGCAACAAGGATTTT
TGGGTTTTAACCTACGACATAGAAGAAATAGGAAAGGACCATATAAAACGATTTTAAATTTAAACGGATCA
GTCGACCTGGTCTCCGAATATATTCTAACTATCAAAAAAATTCCTAGAATTTTAGGCGGAATGGGCATTGTAAT
TCTGTCTACTTCTCGGGGTATAATGACAGACCGAGAAGCTCGACTACAGGGAATCGGCGGCGAAATTTTGTGT
TATATATGGTAATCTTTATGATATTGCAATTATACACAGAAGTTCCTATTTGTAAAAAAGAAAAAAGAAA
AGAGGTGGGTTTATAGTTTATAATACGACTCCCCCTTGATTAATTGATACTTTGAAGGGTGTTCGTCTGGAAT
GAAAGAGCAAAAAAGGATTTCTGAAGGTTTAATTACTGAATCACTTACCAATGATATGTTTTGGGTTTGTGTTAG
ATAATGAGGAGCCAATTCTAGGTTACGTTTCAGGAAGGATTCAACATAGTTTTATCCATATACTAGGTAATAG
AGAGTCAAAATTTAGTAAGTTGTTACGATTCAACCAGGACCAGAAGGCGTATAATTTATAGACTACGAAACA
AAGATTCGAATGATTAGGTGAAGTAGTCTTTTACGTGCAATATTCTTTTTTTGTAGGGAGATCCAATTCGAA
ATAGAAAATTTCAAGAACTTATTTCTTCCAATAAGTAGATTAAGGTAAGGAATAAAAAATATGAAAATAAG
GGCTCCATTCGGAAAAATTTGTGAAAAATGTCGCCTGATCCGTAGGCGGAGACGAATTATGGTAATTTGTTCC
AATCCGAGACATAAACAAGACAAGGATAATCTTTATAAAAAAAGAGGGCCTAAAGGCCACCCACAATATA
TACAAAAAAGAAATTAAGGATCCGTTTTGACATGAAATGGATATATCCATATATCTCTGACTTAGATTTATG
AGATGATAAAATATGGCAAAACCCATACCAAG

>trans_s_2 BT029731|Arabidopsis thaliana At5g64300 mRNA, complete cds

TGGTGT TTTGAAGAGAGCTGGACATACTGAAGCGTCTGTTGATCTTGCGGTGCTTGCTGGATTAGCCCCGGTT
GGAATCCTTTGTGAGGTAGTTGATGAAGATGGTTCCATGGCTAGGTTACCAAACTCCGTGAATTTGCCAAAC
GGGAAAACATAAAAATCATTTCCATTGCTGATTTAGTCAGGTATAGGAGGAAGAGGGGATAGATTAGTTGAAT
GTGCTGGAGATGCTGCTCGTATGCCGACTAAATGGGGACCATTTCAGGCATATTGCTACAGATCTATTTTAGA
TGGAATTGAGCATATTGCAATGGTTAAGGTAAC TACTTTGTTCATAGTGCAAAGCTTTGTAAAAGCATTGTCT
ATTACTGGTGCTACTATATTTAGCCCCCTTTGTTAGTGTTACATGATGAGCCTGCCCCAGTCTGAAGAACTATT
TTATTGCAATTTCTCTTGAGATGGTCTTCCTTTTAGTTCTAAATTCTGCCGAGTACTGAGCATGATGGTGTGCT
CTTAGGTGAAATATCAGTGTCGAATGAGATCAAGACTTGATTACAAATTTACGGACTACTTGCTTTTGGCAGG
GTGATATTGGTGATGGACAAGATATTCTGGTGAGGGTACACTCAGAATGCCTCACTGGAGATATTTTTGGATC
AGCTAGATGCGACTGCGGAAACCAGCTTGCACTAGCAATGCAGATGATTGAGGCTGAAGGCAGGGGAGTCTT
AGTTTATCTTCGTGGTCACGAAGGACGAGGCATAGGTTTGGGCCACAACTTCGTGCATATAACTTGCAAGAT
GCTGGGCGGGATACTGTGGAAGCCAATGAGGATCTAGGACTGCCTGTGGATTCTCGCAATATGGCATTGGT
GCACAGATTCTAAGGGATCTTGGGGTGAGAACAATGAAGCTGATGACAAACAACCCGACGAAGTACAAAGG
CCTAAAGGGGTATGGCTTAGAAGTCTCAGGTAGAGTTCCCCTGATAACACCAATTACAAAGGACAACAAGAG
ATACCTAGAGACGAAGCGCGCCAAAATGGGGCATGTCTACAACCTTGAGTTTGGCGGTAGATTAAGAAATCG
AACCGATGAACGTGAAACATCAAATGGCAGTGTTGCATCAAGTGATGCTGTTGCTTGAGCTAGTAATGCGAA
ACTTTAAAGAGAGATAAAGAAAGGGTTGATAATCAAAGTTGTTGGAAGTGAAAATGATGCTGCTGCAGCTGC
TGGCTGACCCATAAGAAAAAAGCCTAACTTGACTGAAAACCATAACATTGGGTATTATAGTTATTATTGATTC
GGTTTAATGTGTTGGGATTATTATTTTGATTGGAAATTCACAATAGGGATGAAGTTTCAAGAACTAGAACAAT
CGATGATATGTGGTATGAACCTGCTACTCTAAGAAAGAAGCACAGATATAGGACAGACACAATCAATACACAC
ACGTTGAACACGATTTTTTTTATGATAAAGTTTATAAAACAGTACTAATATGTAATAGTATTGAAACTTAAGGTT
GAAATACGCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCC
CCCCCCCCCCCCAAAATTTTTTCAAACCCCCAACCCGGGGGGGGGGGGGGGACCCCATTTCCCCCTAAAGG
GGGGCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACCCCGGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAAT
TTATCCCCTTTGAAAAAACCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAGGCCCCCCCATTTCCCCCTCCC
CAAAATTTGCCACCCGAAAGGGGAAAGGGGACCCCCCGGAACCGCCCCATTAAACGGGGGGGGGGGGGG
GGGTTACCCCAAGGGGGCCCTTAATTTTGCCGCCCCCAACCCCCCCCCCTTTTCTTTTTTTCTTTTTTTTTT
CCCCCTTTGCCGGGTTTTCCCCGAAAATTTAAACGGGGGGGGCCCCCTTTGGGGTTCCAATTTGGGTTTTACG
GCCCCCCCCCCCCAAAAATTTGTTTGGGGGGAGGGTTCCCGTGGGGGGCCCCCCCCCGAAAAACGTTTTTT
CCCCCTTTGCGTGAGGCCCCCTTTT

>trans_s_3 NM_105914|Arabidopsis thaliana tRNA synthetase beta subunit family protein
(AT1G72550) mRNA, complete cds

AAGAAAAACGAAGCCCTAGCCTCCAACATCTTCTTCTTTCATCTCCTTGAAGCCGCCGACCACCCGCTCCT
TCTACTCAGTTTCTCGATCAGCTACAGTCGTAAAGTCTTCATCAACTTCTAAAAAGTCAACCATGCCGACCGTA
AGCGTCGGAAGAGATCTTCTTTTGTGCTGCCATTGGAAGAAGTTACACGCAGGAAGAGTTTGAAGAGCTATGCT
TTAGGTTTGAATTGAGCTTGATGACGTTACGACGGAGAAGGCGATTATTAGGAAAGAGAAGCATTGGAAG
AAGAAGCGGATGAAGATGAAGAAGTCATCTACAAGATTGAAGTCCCCGCGAATAGATACGATTTGCTATGTC
TGGAAGGGCTGGCACAAGCACTGCGCATTTTAAATGAGCAGGAGGACACACCCAGATATACATTAGCCAATA
TCAGCAAAGAATCTATGCATAAAATGCATGTAAACCCGAGACTTCATGATCCGTCTTTTCATCGTTTGTGCT
GTTTTGAGAGACATGACTTTTGATGAAGCAATTTATGATAGTTTTATTGATTTGCAAGAGAACTTCATCAGAA
CATATGTCGACGGAGAAGTCTCGTCGCCATTGGAACCTCACGACCTGGATACACTTGAAGGCCCTTCACCTAT
GAGGCTTTGCCACCTACAGCTATAAACTTTGTGCCTCTGAAACAGACAAAGAATTTAGAGCCGATGATCTAA
TGGAGTTCTATAAATCAGATTTGAAGCTGAGGAAGTACGTGCCATAATAGAAAAGTCACCTGTATATCCCAT

TTTGTATGACCGCAACAGAACTGTTTTGTCTTTGCCACCAATTATCAATAGTGCACATTCAGCTATTACTTCGAA
GACAAAGAATGTGTTTATTGAATGCACCGCGACTGATCTGACAAAGGCAAATATTGTCTTGAATACCATGGTA
ACTATGTTTTCAACGCTGTGCAAAAAGAAGTTTGAAATTGAACCAGTTGAAGTGATATATCCGGATGGCAGGT
CGTGTATTTATCCAGAAATATCTCTCTACAATATGGAAGTTTCTCTGTCTTATATCAATAAATGTATTGGAGTCT
CATTGGAGACAGAAGAGGTTATCAGTTTGTTAAATAGGATGCAATTGCACGCTGAACAGTCAGCATCTGGTG
ACAAATCTAGTCTAACTATATCTGTGCCCCAACAAGGAGTGATGTGCTACACCCATGTGATGTCATGGAGGA
TGTTGCTATTGCTTATGGGTATAATAATATCCCGAAGAAGAAACCAGCATCTTTCAGCCTCTAACATTAAATG
AGTTCAGTGACCTTATTAGAGGAGAGATTGCAATGAGTGGGTTACGGAGGTACTTACGTGGATTCTATGTTT
TTATAAAGAGAACTTTGCCATGTTAAAGCGTGAAGATGATAAATCTACTGCAGTTGTCATTGGAAATCCTCGTT
CAACTGATTTTGAGGTTGTCCGAACCAGTCTTATGCCTGGTCTTTTGAAAATTGTTGGACATAATAAGGATCAC
CCAAAGCCCATAAAGATATTTGAAGTTGGTGATGTATCATTGCTGGATGATTCAAAAGATGTTGGCGCTAGAA
ATCATCGTTATCTTGCTGCTCTACATTGCGGTGCCAATTCTGGATTGCAATTGATTCATGGTTTGTTGACCGA
ATGATGGAAGTCGTGGGAGCTCCTTTGTCTCAGTTGGCGATGATACTGGGTATTACATAAAATGTTGAGATA
ACCCGGAGTTTCTTACTGGTAGACAAGCTCACATCATTATAAAGGAAAGAAAATTGGCACTTTCGGAATTGTT
CATCCCAGGTTTTGGAGAACTTTGACATTCCCGATCCATGTTCTTAGTTGAAGTTAACATGGAGAGCTTTTT
ATAGCATTGATTCCACAGTCGATGATACGAGTTTTGAGGTTTTTCTCAGCTAACTCTCTCCAAACAACACACGT
TCTGTGTTTCGAGAACTCGAAGGCTGTCTCGCTTCAACTTTAATCCCTCATCTAAAGAACCACACTCAGAACT
TTGGCCATTTGTGGTGTAATTGTATGCCAAAACGTTGGTTCACTCTCCATTAAAGTTTTTAACATTCATTGTCAT
GATTTACAGGCAGACTAATTTTTGGTATTTAATATACAACGGTCTATATTTCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4 NM_001070841 | *Oryza sativa* Japonica Group Os10g0204100 (Os10g0204100)
mRNA, complete cds

CTGGGTGGAGCTTTACGCAATCCCCATTATACTCGCCACCCAACCTCCATTCCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTC
TGTTCTTTTCCATTTTCTTACCCTCGCCTCTGTCAATTCACCCAATTCACCCCTCCCTTCTATATCTTCTTCTT
CTTCTTCTCTTTTCAATCACCTTCTTCTGCCTTCTTTCTCTTTTCTCATTGGGTTCCCCACCTTCAGATTG
ATTCACCCCATGGGTAACATTGGCAGTTCGGGTTCCAATGCCCGTAGAAGACACGGTAGTCGCCGGAATCAC
CCAATCCCCACCCCCACCACCACCCCAACCCGAAATTACAAGTAATCGATACGTTTTCGCTGCCGCTACGCC
TTACCCAACTCAATATCCCAACCATCCCAATCATCCCCGCCGTATTACCAGTATCCTGGCTACTTTCCACCGCC
ACCTGGTCCACCGCCTTCCATGCCGATGCCTTACCGGCGCCTTACGATCACCACCATCGTGGAGGTCATCCCC
AGATGGATCCTGCTCATTGGGTTGGTGGGAGATACCCTTATGGCCCTCCTATGCCGCTCAAACGCCCTATGTT
GAGCATCAGAAGGCGGTTACTATACGGAATGATGTTAATCTCAAGAAGGAAACTCTTAAGGTTGAACCCGAT
GAAGAAAATCCGGGGCAATATCTTGATCGTTACGTTTCGATGCCACCGTTGCTGGGAGTATCACCATTTTCTT
CTTTGCGAAAGAAGGTGAAGATTGCAACTTGACCGCGGTAAAAGAAGACATTTTTCAACCAGTAACCGTTCAT
TTTGAGCAGGGGCTTGGACAGAAGTTCAGACAACCTTCTGGAACAGGAATAGATTTCTCAAAGTTTGAAGAG
TCTGAGTTTCTGAAAGTGAATGACACCGATGTCTATCCATTAGTCGTAAAAGCTGAAGCTTCCACAGACACCCA
AACTGGCCAGATGGTACCCCGGTACCTGATCCCATGAATTCTCAAATAACACAAGCAGTGTTTGCGAAAGAT
AAAGGTGAATATCAGGTAAGAGTGTTGAAACAAATCCTGTGGGTCAATGGTATGAGATATGAGCTACAGGAG
ATATATGGCATTGGCAATTCAGTTGAGGGCGATGTCGATGGAAATGACCCTGGAAAGGAATGTGTCATTTGCT
TGTCAGAGCCACGGGATACGACTGTCTTCCCTGCCGACACATGTGTATGTGTAGTGGTTGTGCTAAGGTGCT
GAGGTTCCAGACGAATCGATGCCCAATTTGTAGACAACCCGTGGATAGGCTCTTAGAGATAAGGGTCAGCAA
TGGGCCAGAAGAAAGTTAAGAACGGTACTATCATAATATTACCATTGAAGCAAACCTCTGTACAGCACTGTGTT
TATTGCATTTCTTTTGCATCATCTGAATTGATTTCTTTCCACCGGAATTTTCTACATGTTGATCTAAATAATC
AAGAAAGGAAAGCTGCTTTAAGCTTATTATCAGCACATTGTGACATTGTGCAATGGAAGAAGAAAAAAGAA
GGAAATTGTAAACAGTTGTGCTTGTATTCTCGTCATCAGAAGTGTCTCTAGAATTTATCTCTAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAACCTTACCAAACCCCCACCCCAGGGGGGGCCCCGCCCCATTCC
CCCCAAAGGGATCCTAATACCCCCCCCCCGCCCCCTTTTCCACCCCCTGGCCGGGAAACCCCGGCGT
TCCCCACTTAATCCCCCTTGACCCCCTCCCCCTTCCCCACCGGCGTAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCATCC
CCCCTCCCCACCATTTCCCCACCCGAAAGGCCAAAGGGAACCCCCCGGAACCGCCCCCTTAAACCCGCGGG
GGGGGGGTTTCCCCCACCGGGCCCCCTCCCTTTCCCCCCCCCAACCCCCCCCCCTTCCCTTTTCTCCCTTTCT
TTTCCCCCCCCCTTCCCCGGTTTCCCCCTCCAACCCCAAATCCGGGGCCCCCCTTAAGGTTCCCAATTTATGGTTT
TCCGCCCCCCCCACCCCAAAACCTTATTAAGGGGAAGGTTCCACTAATGGGCCCTCCCC

>trans_s_5 XM_002880063|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

ACCGCGTCCTTCCGATTCCGGCCACCGCCTCTGCCTTCTTTACTTCATCCCTTTCTTCTTCTCCGTTCTGTGTGG
AAGTACAGTCTCCATAATCCACCTGCTTACTTCTGTTCTGCTGCCGTCTCCGATGGGTGAAGTGCGACTTTAG
ATTGCCCTAATCTTCCCCTGATTGCAGGAGGAGTGATGCTTCGATGGATCTTTGAATTTGAGATTTGTTTTG
GTTGTGAGGTTAAATGATAGGGAAGATTCGGTGTAGATGCTAATGGGAAATAACTCAAGAGAAGATATAAT
GGACCTGGATTTGAATCAAGAGCCTTTGGACCAATCATATGATTCAGTGTTAGGGTTAGACACTATACTGAGT
GACCTTGAAACTGCTCATGGACGCATTGAAGAACGCATTCCGGCACTTGAAGCTGTTACGACAAGGGCTACAC
GGCGACAGAGATGGCGACATGCTCCGACTGTTACTGAACCTGCTGAAACTCCAGCAGCTTATGCTCTCCTTGA
AAGACAAGAGACTGTTAATGATAGTGCTTCTGCTCAAGAAAGAATACTTCATTCCGGAGAAAAGTAGTAAAAAG
AATGGGCCTCATTGTTGTTGCCAAAGCATTGGGGATGGATCTAGAGCCAAAGGCCACTGGAACAAGATGGGA
AGTTTTTTCGATTGTAATATATGTTTGGATGTCGCCAAGGATCCAATATTGACCTGTTGTGGTCACTTATTTGT
TGGTCTTGCTTTTATCAGTTATCTTATGTTTCATTCAAATGCTAAGGAATGCCCTGAATGTCAAGGTGAAGTAAC
AGACACAAGCATCATTCCAATCTATGGCCATGGGAATGGCAATCGTGCCCAAAAGTCAAAGCCTAATGATTCT
GGTTTGAAAGTTCCTCCCAGGCCACGTGCACAAAGGATTGAGAGTATGAGGCAGCAAATTTGTCCGAGGG
GCATCATCTTCTCTCATTGAAGAAAGGATTGAGCAGATTAGTAACATGACTGGGGCAATGGGGGAGCAATCTC
GGTCACAGAATTTTGATGTTACACAAGGAAGGATTGAGAGGACTAATTTGTTGGGCCGGAGGCGTCGTGCCA
CCCAAGTATTGCCTGTTCTGAGAATGAGAACAATCAGCAAAGTCGATCCCTTCAAGTTTCTAGATTGCTGCTG
CAAGGTGCTGCCTCATTTTCATCTCTCTCATCTGCTTTGAATTCGGCAATGGACTCTGCTGAAAGATTAGTTGA
GGACCTTGAGACATACATCCACAATCATAGTGCAAGTAGAAGCCGCCACACTCTGTTCTAACAATCCTAACA
ATGGAGATTCCTTGTCCGGTATCGTTCCAATGTGCAGTCGGATGGTATAGCCCCAGATCCTGTTGGTGAAT
CACCTTCTGGTTCCCCAGTTTGAGTCATCTTCTAGAAGTATGGATATTGCTACAAATATTGAACGTCTAGAAA
GCCAGACCAGTAATGCTACTGAGTTTGACCGAATCATACTCCCATCTCCATCAACTAGAAGGAGGAGTGAGTT
ACCACGACGGTCAGATATGGATAATGTACTTTTACAGGAGCGAAGGAGGAGGAGACTGGGATAATTGTATTG
ATAATGAAGTTCTCATTGTATGAGATATTTATTTACTTCATCACTTTTCTTTTTAAGTTATTGAATGTTCTTCA
ACATTGGGGTGATTCTTGCTGGTGTGAAATCCCATATAAATAACAGCTCTAAGAAGTTTGATGGTTCGATTTTCT
GACAAGGCATCGGAAGATTAAGAGGAGCGATCTCGTTAGCTTTCCAGCTGCAACACACTTATAACGTCGCGA
GCTGGTTGCTGCAAAAGCTCGTGCTGAATTTGTTCTTCATGGAAGATGCATATTTGATATTGGTAATGCTTCG
TCGTCATATAGCTGTTGATGTAATGGTAAGCTCCTGTAATGTATACACGCCATGTGCAAGTCCCTCCCCCTTCC
CCTCCCCCAATGAATTTGGCATCCAAAATTTCCCATGGTCTAGATAGATAGATTGTACTGGTGTGGAAATTA
CTGAAATCAATATGTAGCTTTTCTTCTGAAATTCTTTCATTGAAGAGGAGTTGTGTTTTGAGGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_6 XM_002314078|Populus trichocarpa anthranilate synthase, alpha subunit 2 (ASA2), mRNA

ACACACGTGCCTCTCTCTCGATTTTATATCCCCTCTCTCCCGCCGCCGCTTCCGTCCGTGCTTCGCCGACCGC
TCCTCTCTTTCTATCTCTCTCTCCTTTCGTTGTGAAGATGTGCAACAAAATTTTGAATATTGATCGACTCTACCG
AAAGTTCAATAATAACAATTCCATTTCAACGTTTCTCAGTCACATTCTGCTCCTGATTTGTCTTCTCTAGCATT
TCAATTTTCCGGTAATAATGAATACCCTAGCTGCCACTTCGAATCAATTGCCTCTAACTCTCCGGCTGCCGTCCA
AGATTTCTCTCAACTATGACTCTAAATTCTCAAGATTGAGCTCGACCTCTCGAGCTCTTGTCGGCGGTAACCCA
AGAGCGCGTGCAATCAAATGCTCTGCTGTATCACTGGTCGACATTCCAGAAGCATTATTGAAGCTTCAAAGA
AGGGGAATTTGATCCCGCTTACCGATGCATATTCTCTGATCACCTTTCGCCAGTGCTTGCGTACCGCTGTTTG
GTCAAGGAAGATGATAGAGAAGCCCCAAGTTTTCTATTCTGAATCCGTTGAACCTGGCCTGCAAGTTTCAAATG
TTAGGAGATATAGTGTGCTTGGTGCTCAACCCTCAATTGAAATTTTGGCGAAAGAAAATGTTGTTACAATTTTG
AATCATGAAGAAGGGAAAAAGAACGGAGGAGATTGTTGAGGATCCTATGACAGTGCCTCGAAGAATCATGGA
GAAATGGAAACCTCAACTAATTGATGAACTTCTGACGCTTTTTGTGGAGGATGGGTTGGTTACTTTTCGTATG
ATACTGTCCGCTATGTAGAAAAGAAGAAATTGCCATTCTCTAGTGACCAACAGATGACAGAAACCTTCTCTGA
TTTTCATCTAGGACTTTATGATGATGTTATTGTGTTTGATCATGTGAATAAGCAAGCTTATGTGATTCATTGGGT
TCACTTGGATCAATATTCTTCAGTTCAAGAAGCATACAAGGATGGAACCGCTCGGTTGGAGAAGTTACTCTCC
AGAGTACATGACATAGTTCCACCAAACTTCTGCAGGATCAATAAGATTATTAACATCTTTTTGGTCCAAA
ACTGAAGATGTCAAGTATGACAAGTTTAGAGTACAAGAAGGCAGTTTTGCAGGCTAAGGAGCACATCCTGGC
AGGGGATATCTTCAAATTGTATTAAGTCAGCGTTTTGAGCGCCGAACATTTGCAGATCCATTTGAAGTTTACC
GAGCTTTGCGGATTGTCAATCCCAGCCCATACATGACTTATTTGCAGGCTAGAGGTTGCATCCTAGTTGCTTCA
AGTCCAGAAATTCTTACAGCGTGAAGAAGGGAAAGATTACAAATCGACCCCTAGCTGGAACCATTAGAAGA
GGGAAAACAGAAAAGGAGGATAAAATGTTGGAGAAGGGGCTTNCACGATGCAAAGCAGTGTGCTGAGCAT
ATCATGTTGGTTGACTTGGGAAGAAATGATGTTGGGAAGGTATCAAGATCTGGCTCGGTTAAGGTTGAAAAG
CTAATGAATATTGAGAGGTATTCTCATGTCATGCACATTAGTTCAACTGTCACAGGTGAGTTAGTAGATGATTT
GAACAGTTGGGATGTCTTGCAGCTGCCTTGCCGGTGGGGACAGTTAGCGGAGCACCAAAGGTGAAAGCAA
TGGAGTTGATTGATCAGCTGGAGGTTACCAGGCGAGGACCGTACAGTGGTGGGTTTGGTGGGATTTCATTTT
CAGGAGACATGGATATAGCCCTTGCACTAAGGACCATTGTCTTCCCCACTAATACCCGTTACGACACCATTTAC
TCGTATAAGGATGCAAACCGCCGAATGGAATGGGTAGCTCACCTCCAAGCCGGCGCAGGCATTGTGACGGAC
AGTGACCCCGGTGACGAACAAAGGGAGTGTGAGAACAAAGCCGCTGCACTTGCCCGTGCAATTGACCTTGCA
GAGTCGTCATTATCGGAAAATAGTGACAAACTTTTGTTATTCTTACTGTTCTTTTCCATCCATCGCTCAGTAG
TTTCAAGTTCCAATTTTTGGGTTCAAAAATCACGATAGATATAACCATTTTATATTAGTTTTTATTACTCCAGTAC
TATTTAGTCTCTAGGTATTTGAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_7 AF325014|Arabidopsis thaliana At2g01140 (At2g01140/F10A8.2) mRNA, complete
cds

ACCCCGATCCACTCACCTACCCACTTAACTACGATTGCAAACGAACCCAACCTTTTTGATTTTGTTATTTCTCTTC
CCATTTAGTTCCATATTAATCGTCCCCGAACCAATTTGATTCTGTGTTTTCTTTTACCCCATCAATTCTTTC
TCTCCGTTGTGCAAGCCATGGCCTCCCTGAGCTTCGCTAAGTTGAACGCTTCATCTTCGCAGTGGATTGCCCAA
CAATCTTTCTCTCAGAAGCGTGGGTCTTCCAGACGACGCTTTCTGTTCCGATCCGTGCTGGGGCTTACTC
AGATGAGCTTGTCCAGACCGCGAAATCAGTTGCATCTCCTGGACGTGGTATTCTTGCCATTGATGAATCCAAT
GCAACTTGTTGAAAGAGGTTAGCATCCATTGGCTTGCCAATAACGAAACCAACAGACAAGCTTACAGACAG
CTTTTGCTGACCACGCCTGGCTTGGGAGACTATATCTGGTGCTATTCTTTTCGAGGAAACACTCTACCAATC
AACCACAGATGGAAAGAAATTTGTTGATTGCTTACGGGAGGCAAAAATTATGCCTGGCATTAAAGTTGACAA
GGGTTTGGTTCCTTTGCTGGATCTAACAGTGAATCTTGGTGTCAAGGCTTAGATGGACTGGCCTCAAGATCT
GCTGAATATTATAAGCAAGGTGCTCGTTTTGCTAAGTGGCGGACAGTTGTTAGCATTCTTGTGGTCTTCCGC
TCTGGCAGTTAAGGAAGCTGCTTGGGGCTTGACGATATGCTGCCATTTCTCAGGACAATGGCCTTGACCT
ATTGTAGAACCTGAGATCCTTCTGATGGAGACCATTCCATTGACAGGACACTTGAAGTGGCTGAAAAGGTCT

>trans_s_8 NM_121022|Arabidopsis thaliana transcription elongation factor-related (AT5G09850) mRNA, complete cds

GGTTTTCGTTTTCATGGCGATGTTTTCTTTCAGTTTCAATATTGATTGATTCTGTGAGCATCATGATATGATGAT
GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGGATGGATGAGACTATCAACTAAACCACAAACTCCAAAA
GGAAAAACAAAATTTCTCGACTTGGGTTTTGATTTTGGAAACATTCTTCTTCTTCTTGTCTACCTAATGTAAATT
GACCCACTTCCAAAATTTTCCCTTTTTATTCTTTGAGGACGAAATCCGGTTGTTCTTCGTTTTCTCAAGGAATAT
TCCGTAGTTTTTGATTGGGTTCTTTTTAATTTATTGTTTCAGTTGCTTTTTGTGTCCTTAATTTGTTTCGTGACT
TGGGTTTCTGTAATTTGACGGGTGTCTTCTTCTCCTCCTCCTCCTTCTTCTTCCAGACGGCCACTGAGAG
TTTGGATTCTGAAAACGATCGGTTAAACTTTTCTTAGGATCGAATCAGATCTATTCTATGTCATTTGGGTTTCT
TTTCTTTTTTGTTCTTTCAAAAAAATTTGTTAACGGATTATGACGATTTTGCTTTTCCATCACTGGGGTTTCTG
TGCAATTTCTAGCGTTTTTCTTCTCTTTTGTTATTGTCTAGAGTTTGGAAGTAGAATAATAAACTTCTTCTTAG
ATCCGTTTCTGTTTCCAGAGTCCATTACTGAAAACAAGAACTACAAACGTTTTTTTTCTTTTTCAGATTGTTTATCG
GGAAGATAACCTTTCTTCTCTCAATCAATCTCCGATTCTTCCAATCGGACTCCTAAAAAAATGGTTCGGTTG
GATTTAGATGATTTCCGAACATATTAGATACGGCCGGCGTCGATGTTTGGACTTTCATCGATACAGCTATGGA
AGTCGCTTCATTAGATTACGGTAACCAATTGAAGAATCGGAGAGATGGAATCGTTGAGAGGCTCTACGCGTT
GACTTCGCCGCCGTCTCGATGTCGGAACGTGATACGGATCGCAACCATGACGGTCGCTCTAATGGCTGTGAA
ATCAAACAGGGTTCAGGTGAGGTTAAGGGAGCTTCCCCTTCAACGCCGCAGTTCGTTGTAGTGGAAGGGGAT
GACGATGGAGCAGACCCATATGCAGGATTGTTTGATGATGAACAGAAGAAGGTTCTGGAAATAAAGGAACA
GCTCGAAATCCCTCACCAGCCTGAAGATGCTCTGGTTGAACTGCTTCAAACCTTAGCAGACATGGATATAACA
TTCCAAGCTCTTAAGGAAACTGATATTGGAAGGCATGTGAATCGGTTGAGGAAGCATTCTAATGATGTTCT
GTAGATTGGTGAAACATCTTGTCAGAAAAATGGAAGGAGATTGTTGATGAATGGGTGAGGTTGAATCAACCTG
GGGAGCAAACAGCTACACTCTTAGCTGATGGCGACTCACCCAGCAAAAAGCTCCTCAAATGGTTATCATCA
GGTTCCTGATTTTGCATACTCTCCGAATCCACACAATGGAGGTTCTGGGTCCGATAGAAATAAAGCTGAGAACCG
GAACCGAAGGGGAAATCCGTTCCAAGAAGAGATGCCCGCCGAAACCAACAACAAGCTCCAACGTCGTCT
TTAACTCCACAAAATAGGCAGAAAGAACAACAGAAAGAAGCAAAATTTTGATTCCAAAAGCTTGCATCAGCTC
GAAAAAGGCTTCAAGAGAATTACAAAGAAGCTGAAAAATGCTAAAAAGGCAAGAACAATTCAAGTCATGGACA

TCCATGAGATTCCAAAGCCAAAGAATGCCTTCTTCTCAAAGAACAAAGGCAGCGGTGGTGGTTCTCAAGGCA
GACACTGGTGATAGATAATTTGGCAAATGCAAACCACATCTTCTAAATTAGGGTTCTCCGTTATCATCGAATGA
ATCGGTTTATCATCATCTTTCTATTTGTTACATCTTTTGATCATTAATTCTTAACCTTCTATCAAGTTTAAAAA
GAGAATCAAAAACCTACTTTTCGCGTAAATCTTCTCTTAATAAGCAATGCTATTACTGATATATTGTTAATCTACT
GAGTCTTGAAACCTCACTGCCTGTTCTATATCATGTAAAACTCAGATAGGAAGGCCATATCTCTCTCTCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_9 NM_118666|Arabidopsis thaliana immunophilin-related / FKBP-type peptidyl-prolyl
cis-trans isomerase-related (AT4G25340) mRNA, complete cds

TGACGCCCAGCGACAGCAATAAACGGGACTGTTTCAGGGTTTAAGGTAGCAGAGCAGCGTCGCCTAGGGTTTT
ACGGAAAGCTTCATTCTACTTCAACCAATATTCTCCCCTCTGAAATGGGTTTCTGGGGCATTGAAGTGAAACCA
GGCAAACCATACTCCTACCATCTGATAATGTGACGGGAAAGCTTCGGATTACTCAGGCAACTTTGGGACCTG
GCTCATCGAAAGAAAGAAGCGTCGTTCAAGTGTCTGTTGGCAACAAGAGTCCAATCTTTTTGTGCTCTTTAATA
CCAAATAAGATTGAATCATGCCCTTGATCTTGAGTTTGAGGAAGACGATTCGATAGCCTTCTCAGTTATTGG
TCCACAAAGCATTTCATCTTTCTGGTTATTTGTAGCCAACGAGGGACATGTCATTGGTGATGACACTGAGTCTG
ATTCTTTTGGGGAGGACATTGCAGAAACAGATACTGAGGATTCATCAGAATATGATACCGGAGATGAATATG
ATGATGAGTTCATTGACGATGATGACGACTATCCTGGGATGTACTCAACTTCACCTGTTCCCAAAAGTGGAGTT
GTAATCGAGGAGATAGTTGATGATGAGAAATCCAACGATGCCAATGGTCAAGCTAAAAAGTAAAGAAAAAT
AAGTCTAGTGACTCCGAGGACATTAGGAACTCTCAGCGTCAAATTGTGCTGAAAAGGAATGTGGAAACTGCT
GTTTCAGAAAGTGAAGATGAAGATGGATTCCAATTCCTACCAAGGCAAGAGCAAAGCGAATATTCAGAAA
CTAGAATCAAAACAAGAGCAAAAAAGCCCGAGTACTGAGGATGTGAAAGGAGACAAGGCAAAAGATGGCAA
TGATGTTTCTAGCTTAAAAAGAAAAGTTGAAAACGATGAACAAGTTGATCATATGGAAAGGAAAAAGAAAAA
GAAGCAGAAGAAAAAGGTAAAGATGAAAAAGCTGAGGAAACTCGTAATGATGGTGATATGGGGAGTGAA
AAGCAACAAGCAGAAGATGACAGTGCAGCTACTAATCTGATTTCTGATGGAGATGAGAAAGATAAAAAAGATA
TCTGAACAGAGGGATGCCTCAATTCACCCAAAGGTTGTGGATGGTGAAAATCACAAGGAAGATAAGCAAAAA
AAGAAGACAAAGAAGAAGGGAAAGAAGAGCAAGGAGGCTGAAGCTGGATCAAAATCTGATGAGCTAACTA
AAACAGCAGGTGATAGGATTGAATCAGCTTTGGGATCAAAGAGAAGGAAAACGAATCCAAACCATCCCGCG
TGAGAACCTTTGCTAATGGGTTGGTTATTGAGGATGTAGCGATGGGTAAACCAGATGGTAAAGAGCTTCAC
CTGGAAACATGGTTAGTGTTCACTACATTGGCAAGCTAAAGAACGGCAAAATATTTGATAGTAATATTGGAAG
GGCACCATTCAAATTCGCTTAGGTGTGGGACAGGTTATTAAGGGATGGGATGTCGGGGTTAATGGTATGCG
AATCGGGGATAAAAGGAGATTGACAATCCCTCCATCAATGGGCTATGGAGATGCAAAATTTGGGAGGATTCC
GCAGAATTCATGGCTTACGTTTGATGTTGAATTGGTTGGGGTTCCTGAATGCATCAATCTTCCACTCTTTCTTT
CTTGCTTACTTCTGATGTTGAATTGGTTGGGGTCCGCTGAATGCATCATCTTCTTCTACTCTTTCTGCCTCAA
AATTTTGCTCCTATACATCCACACACATATTTCTAACTTCAATCTCAATTTTGTATTTTAAATTAATACGTGCAC
TTGATTTTTTTGAGTCAACGAACTGAATCATAACCTTCTGAACCTTTGTGTGCATTATTAATGTTGATCAGAAAA
TTACTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCC
CCAAAAATTAATCAAACCCCCCAACCCCAAGGGGGGCCCCGACCCCATCCCCCTAAGGGGGACCGAAAT
ACCCCGCCCCGGGGCCCCCTTTTAAAACCCCGGAGGGGA

>trans_s_10 XM_002888097|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DC1 domain-containing protein,
mRNA

GTTCTTGAAATTGTAGGACTGACCGCTGACCACAGCGAAGAAAAAGTCTTCTTTGTCTTTAACCTTAAACA
AACACCGATCATGGCCGCTCTCGACGGCGCCGTCCCCATCCCCATTTTCTTCACGCTCTCTCCGTTCTGAGAC

TCAGAACTACCTTCTCCGCAATAATGGCGAAAAGGTTGAGATTGAGATGCTAAAGGGAAAACTCTTGGCTTG
TACTTTTCAGCAGCTTGGTGTGGCCAATCTCAAAGATTCACCCCCTCTTTGGTGGAAGTGTATAATGAACTCTC
TTCTAAAGCCAATTTTGAGGTCATTTTGTGTGAGCTGATGATGATGAGAAGTCTTTAGAAAATATTTCTCTAA
GATGCCATGGCTTGCTGTCCCATTTTCGGATTAGAGAGAAGGGATCATTTGGATAGCTTGTTTGAAGTGAGG
GGAACACCCCAACTCATAATCCTTGATAAGAATGGGAAATTTTCTACTGATAGTGGAGTCGATTTTCTACTAG
AATTCGGAGCTGAGGGGTATCCTTTTACGGTGGATAAAATCACTCAATTGTTGAACCAAGAAGCAGTAGCCAG
AATGAATGAATCCTTGAGATCTATCATGGTCTCTTCTCACGTGATTTTGTAAATACATCTAAAGGAGAGAAAAG
TACCTGTAGCTGATCTTGAAGGGAAGGTAATAGGTCTTTATTTTTCGTTGTCTTCATATGAACGATGTATAGCT
TTTACACCAAAGCTTGTGGATGCTTATGAGAACTGAAAGCGAAGGGGGAGAAATTTGAAATTGTGTTGATA
GCCATTGATCAAGATGAAGAATTGTATAAAGAACTTTGAGAAACGTTCTTGGTTTGCATTACCATTACAGAG
ATAATAGATGTGATAAGTTGATTCGATATTTGAGGTTTCGACACTACCCACCTTGGTCATAATTGGACAAGAT
GGAAAACTCTTCACTCTAATGTTGCTAATGCTGTCGCAGAACACGGTTTTCTACCGTATCCATTACAGAAGA
AAAGTTTGCAGAGCTTGCAAAGATTGAAAAGGCCAAAAGAGGAAGCTCAAACCTCTCGAGTCGATTTTAGTTTTG
GGGAGCATGATTATGTCATCAAGAATGATGAAACCAAGATTCCGGTGTGCAATCTGGTGGGTAAGAACATC
CTCATCTACATCTCAGCAGATTGGTGCCACCATGCCGTGATTTCTACCAAACTGATTGAAACATATCACAA
TGTAAGAAGAAGGATGACAATCTGGAAGTAATCTTCATTTCTTGCATAGGGATGAGTCATCGTTCAAAAAT
ATGTTCTCTAGAATGCCATGGTTGGCTGTTCCATTTGATGACCAAAGGAAAGCATCAATAAGGCGTAAATTCA
AGGTTCAAGTGGAAGGAATGCCTGCACTCATTTCTATCGGAGAAGATGGGCGCACTGTGACAGATGATGCTG
TTGAACTTATTTCAAATTATGGTGCTAAGGCTTATCCATTCAATGCTGGTAGAATTGAAGAGTTGAAGTTAGAA
ATTGAGGTGATGGCAAAGAATTGGCCGCAGGAGGTGAAGCATATACTCCATGAAGAACATCCAACCTTCACTT
GTGTCTCGACAAGGATATGTATGCGACGGATGCGAAAAGGACGGGGCGTTTATGGTCGTAAGTCTGCAAGAA
TGTAACCTTTGATCTCCATCCAGGTGTGCTTTGGAAAAGAGACCAGAAAACCAAGATGAGACGGAAGCATGG
AGTTGTTGTGTTGAAGTTTACTCCATTCATGTTGAAAAAGTCTGCACACTTCCCTACTCAACTTTTGTGTTGTT
CGAGTACAATAATTTACCATAATTACAAAGATAGGATATTGAACCTCGATTTCTAAATAGCTTTTACTAGAGTA
GGGAAATATGTCGATTTCCCTTGAGCTAAGGTTACTGAATTAGACAACCTCGACCTTGTTTATACTTTTGGTTTTT
TTCTTACATATCTTATTCTCTCTTTTGGATTCCACTTCTCTTTATGTATATGAGTAAAAACCTTTACTTTTCTAG
TATTTATATTTATATTTAAGATTTCGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_11 XM_002881393|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata inosine-uridine preferring
nucleoside hydrolase family protein, mRNA

ATGAAAAGGGTACGAACAGAAGCAGAAGCAGATAAAGTAGCTTTTGGGTTCCCTTTTCATTGCAATTTCCGAT
CGAAATTCTTTTATTCGATCTCACACAAACAGAAATTTGATTGGGATTTTACCATTGTTAATCTCGTTCTGTTT
GTCTCTATCTTCCGCCCCGCTTTTTTTCATCGTCATCTCCACCTAACCAAAACCCACTCCAATCAATTCTCTATTAT
ATATTCTTTATCACTAAACAATCGGAAACACCTCGGTTTCCTTCATCCATCGTCAGCTTCTTCTTCTTCTCACT
TTCTTGACTAATTCTTTTTATTAAAATCCCTAAAATCCCATTTTGTTTACACCCCATATCTCCAATTTTATGTGT
GTGTGCGTGTCTTTCTTTTTCTTATAGTCACGCGCACATACGTATTTGATTTCACTTCTTTCGTTATCCCAATATT
TACCCTTGTTTCAGTTTGAATTTTGGTACCAGATATGGCGGATTTGAATGGTGAAGCAGACATTTTGAATTCT
TCTCCACAGCTGGAGAAGCTCATTATCGATACCGATCCTGGAATCGATGATGCCATGACTATCTTCATGGCATT
TCAAAGTCCAGGATTGGAGATCTTGGGACTAACTACAGTTTTTGGCAATGTCTTCATTGAAGACGCGACGCTT
AATGCCTTGCTTCTGATAGTGTGAGATGGCAGGCCGTTCCGATGTTCTGTGGCTGAAGGCAGAGCTGAACC
CCTGAAGGGTGAACACCTCACATTGCTGACTTTGTACATGGTTCTGATGGACTTGGAATTTAAATCTACCAT
CTCCAAGTACGAAGAAAATTGAAAAATCTGCTTCTGATTTTTTAGTTGAGACGGTTTCTCAGCATCTGGTGAA
GTATCTATACTTGCACTTGGGCCTCTCACAACTTGGCTCTGGCAATCAAATGGATTCTACCTTTGCCAGCAA
GGTGAAAAGGATTGTTATACTTGGTGGTGCTTTCTTGTCTAGGGAATGTGAGCCCTGCTGCTGAAGCAAAT
ATCTATGGAGATCCAGAAGCAGCAGATGTTGTATTCACTTCTGGAGCAAACATTGATGTGATTGGGATAAACA

TCACCACACAAGTTAACTTACAGATGACGACCTCCTTGAAATAAGGGAATCCAAAGGAAAACATGCTCAAGT
CTTATGTGACATGTGCAAATCTACAGAGATTGGCATGTCATGTGCGACGGGGTTTATGGCATCTTCCTCCATG
ACCCTGTTTCATTTGTGGCTTTAGTTCGCCCCGATCTCTTTACATTCAAGTCTGGTGTGTGAGAGTTGAAACTC
AGGGAATCTGTGTAGGTCATACATTGATGGATCAAGGAATCAAGAAATGGTCTGGAAGCAATCCCTGGACAG
GTTATCCCCAGTGTCTGTAGCATGGACTGTCAAAGTGGATGAAGTCACCAAATACGTTAAGGATCTATTGAA
GAAACCGTGAGTGTTGAATGTTTAATTGTTAATGAAATGTCACAAGCAAAGCAATCTTTGTTTGCTGATCCTTT
TTTCTTTTTTTTTTAACTCTCCCTTTTAGAACTCTCATTTGCAGATAGTGGAAGCATATAAATAACTAAAT
CTCAATTTGATCAACCTCCACTTCCCTGTGGATGTTTGAACAAACATTCTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTAAACCC
CCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCATCCCCCAAAAGGGGGTAAAAAACCCCCCCCCCGGGGGCCC
CTTTTAAACCCCGGGGGGGGGGAAACCTGGGGTTTCCAAATTTAACCCTTGAAAAAACCCCTTTTC
CCCGGGGGGGAAAAACAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTCCCAAAATTTCCCCCCCCGAAAGGGAAAGG
GGAACCCCTGTAACCGCCCCTAAACCGCGGGGGGGGGGGG

>trans_s_12 AF095520|Citrus X paradisi pyrophosphate-dependent phosphofructokinase beta
subunit (PPi-PFKb) mRNA, complete cds

CCATCAGTTTCCCTAGTCATCGTGCTTCCTCTAGTCACAATGTCAATTTCTTCATCTCCAATGGCGAAGCCGCC
GTCAAATCCAATTACCCGCCGCTCTCCGGACGGGTCTCCTCAGTGTATAGCGAAGTCCAGTCCAGTCGTATCAA
CCACAATCTGCCTCTTCTTCTGTTCTCAGAAGTTCCTTACAATCGTCGATGGACCCCTAGCTCTGCCGCTGG
CAATCCAGACGAGATAGCCAAGCTATTTCTAATCTTTTCGCCAGCCATCGGCAAAATTGGTGCCAAGCGAT
TCCAGCAAAGGTCAACCGGACAAAAAGTTGAAGATTGGCGTCGTGTTATCTGGTGCCAGGCCCCGGAGGA
CACAATATGATTTCTGGAATTTTGATTACTTGACAGGATCACGCCAAAGGCAGTGATTATATGGCTTCAGGGG
TGGTCTGCCGGGATTATGAAATGTAAATATATTGAATTGACTTCAGAATATATTTATCCATACAGAAATCAGG
GTGGGTTTGATATGATATGCAGTGGGAGGGACAAAATTGAACTCCAGAGCAGTTCAAACAAGCTGAAGAAA
CAGCGAAAAAGCTTGATTGGATGGGCTTGTTGTTATTGGTGGAGATGATTCCAACACGAATGCCTGTCTTCT
TGCTGAAAACTTCAGAGGTAAAAATTTGAAGACCCGAGTAATTGGTTGCCAAAAACAATTGATGGAGATCTA
AAATGCAAAGAGGTGCCACAAGTTTGGATTGATACAGCTTGACAGGATATATGCAGAAATGATTGGTAATG
TCATGATAGATGCCAGATCAACTGGAAAATACTATCATTTTGTCCGGCCTATGGGGCGTGCTGCTTCACACATC
ACCCTAGAGTGTGCTTTGCAGACTCATCAAATATTACTATTATTGGGGAAGAGGTTATGCCCAAAAGCAAA
CACTGAAAAGTGTTACAGATTACATAGTAGATGTAGTCTGCAAACGTGCTGAACTTGGTTATAACTATGGTGT
TATACTTATCCTGAAGGTCTGATTGACTTCATCCCAGAGGTACAACAATTATCGCAGAGCTAAATGAAATTC
TGGCCCATGATATAGTTGATGATGAAGGATTGTGGAAAAAGAACTCACTAGTCAGTCTTTGAACTTTTTGA
GTTTTTACCTCAAGCAATCCAAGAACAATTGATGCTTGAAAGAGATCCACACGAAATGTTGAGTTGCTAGA
ATAGAAACAGAGAAAATGCTTATTCAGATGGTAGAACTGAGTTGGAGAAGAGAAAAAGCGAAGGTGCTTA
CAAAGCCCAATTTAAAGGCCAATCTCACTTTTTTGGATACGAAGGGAGATGTGGTCTACCAACCAATTTGATT
CCACATACTGCTATGCATTGGGTTATGGTGCTGGAGCTCTCCTGCAGAGTGGAAGACTGGACTAATATCATC
TGTGGGGAACCTTAGCTGCTCCTGTTGAAGAATGGACTGTTGGTAGGACTGCTTTGACTTCATTAATGGGCGTG
GAGAGAAGACATGGCAAGTTCAAGCCGGTGATTAAGAAGGCAATGGTCGAGCTTGATGGGGCACCTTTCAA
GAAGTTTGCATCATTGAGGGATGACTGGGCATTCAACAACCGATACCTTAGTCCTGGTCTATTCAATTCGTG
GGTCTGCATCAATGCTGTTAATCATACTCTCCTTCTTGAAGTGGGAGTCGAAGCTTAAATTTAACCCGAGC
TGATGTTTTGATTCAAATTTTATTCATGAGGAAGCTTTCTGGCCGTGTGATGGAATTTTTTATGTGGAAGAA
CACTTATTAATCTTCAACCCGAGGAGACACCGGCGATTATGTATTGTCTCATAATCATAGATAACCATGGAGAT
GGTAACTTCAGCTTAATTAGCATTTTCTCAGTGGTGTGTAAGGCGTTGATTAAAATTGCCGATGTTTTGTGG

AATAATATGGGTTTTGTTAGTTTGATGGGAACTCATTCCGATGACTATTACGAAATTTTGAAGGATAAGGTTGC
CCATTTATGAATAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13 XM_002878573|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphofructokinase family
protein, mRNA

ATTGTTCAAAGTTTAGTTCTAGTTCGTATCGGACTTCGAGTTCGTCTCCTCCTTTTCATACTGACAAACCAATTC
CGTATTAAATTACCAAACCTCTCTTCTCAACCTCGAATTTTCCTCACTTCTTCAATTTGACTTCTCTCTCAATTCCT
CTAAACCGGGACCTTTTTCTTCCCTTCTTCTCCCCGATCGCCGTTTGATGGGTTCCATCTCGCACGCGATTCTTCC
CAAACCTCGCTTCCCATCACCAACTTCTTCACTTCTCCTCCAATGTACTTTCCGGTTTCAATGGCGATAAGTGT
AGTCTCAGTTCGAGGAAGCATTCTGGAAGAATCTTCGCTCTCTTGATGTTAAGGATGGACGCAAGAACACCG
CCATTGATTTTAATGATCCCGATTGGAAATTGAAGTACCAGGCGGATTTGAAAAACGCTTCAATCTCCCCAC
ATTACCGATGTTTTGTAGATGCTCTTCTTCTACTTTTTGCCTCAAGATGAGGACACCGGTTTCGGAC
GTCTTCGCTGGAGGGTATCCGTCCGATGAAGAGTGGCATGGATACATAACAATAATGATCGCGTACTTCTCA
AGGTCATTAATTACTCATCGCTACGTCCGCCGGTGCTGAGTGCATTGACCCCAATTGTACTTGGGTAGAACAA
TGGGTTACCGTGCTGGGCCTCGAGAGAAAAATACTTCAAACCAGAAGAAGTGAAAGCAGCAATTGTGACT
TGTGGAGGTCTCTGCTGCTGCTAAATGATGTTATCAGACAGATTGTAATCACACTTGAAATTTATGGTGTA
GAAGATAGTTGGGATTCCCTTTGGATATCGTGGATTCTCTGACAAAGAACTGACCGAAATGCCTCTGTCCAGG
AAGGTGGTTCAGAATATTCATCTTTCTGGTGGAAGTTTGTTAGGAGTTTCCCGGGGAGGTCTGGCATTGACG
AAATTGTTGACAGCTTGACAGGAAAGAGGAATTGATATGCTTTTGTGGGTGGAAATGGCACACATGCTGG
GGCTAATGCAATACACAATGAGTGTGAAAAAGACGGTTAAAGGTGGCTGTGGTGGTGTTCAAAGACTAT
AGACAATGACATCTTATTGATGGATAAACTTTGGTTTTGATACTGCTGTTGAAGAAGCACAAAGAGCAATA
AACTCCGCCTACATTGAGGCACATAGTGCTTATCATGGAGTTGGCATCGTAAATGATGGGTGCGCAGCAGTG
GATTTATAGCAATGCATGCTGCACTTGCTAGTGGGCAGATTGATGTATGCTTGGTTCCTGAGGTACCTTTCAA
TTACATGGCCCCCATGGTGTCTACGCCATATAAAATATCTGATAGATACAAAGGGGTCTGCTGTGGTCTGTGT
GGCTGAGGGAGCAGGACAGAATTTGCTGCAAAAGACAAATGCTACCGATGCTTCTGGGAATATTGTACTGAG
TGATATTGGCGTATACATTCAACAAGAGATGAAGAAATACTTCAAGGAGCTTAGTGTTCCAGTTGATGTGAAA
TATATTGATCCGACATATATGATACGTGCTTGTCTGCAATGCATCTGATGGGATTTTGTGTACTGTATTGGG
GCAGAAATGCAGTCCATGGCGCATTTGCAGGATACAGCGGTATCACAGTAGGAATCTGCAACACACATTACGT
ATATCTTCCCATTCTGAAGTGATTTCTGATCCCAGATTGTTGGACCCAAATAGCCGAATGTGGCATCGATGTC
TAACTTCCACAGGTCAACCTGATTTTATCTAATCATCTCCTTAATTTATGCAAGAGGAATGAGGGAGCAGGA
AGGTAGCTTCAGTTTCTTTGTTTTGTTAAGTTAGGGCAAGGGTTTAGTAGAATAAATAATGGCGAGAGGAAA
ATGTTAAGTGTATAGCATTAGTACTTGTGAAGATTCATTTATAATAAGAGAACATGGAGGGGAAAGAAACC
AAGTTCTTGATGCTTTGTTGCATAATATTTATTCATTGTATCTCCGAAAGAGAAACATTGGTCATGTTATTATTC
TTTCAGAAAATGCAATTANCAAGAGGACTCATTTGATT

>trans_s_14 NM_103072|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein
(AT1G33470) mRNA, complete cds

CCAACAACAACCTTTCCCTCATTATGCCATCCAGCAAGGGATCCCTTACAATCTCTATGGGTACTCTTCTTATTCCG
CCAGACTACACTTACCCTACGAGCTATTACAATGTGTACGGCGGGGCAACTGCACAGTACCCCATGTACGGGA
CGGGTCCGGGCGGCATATTGAGCGGAGCAGCAGCAGCAGCGGCGGCGTTCTACCCGTATTTCCAATTCGGGG
AAGGAAGCGGTGGCGGCGGTTCCGGGCAGCAAGGGTATGGGGTTCAGTATCCTCACCATCTGTTTCAATACT
CGGCCGCGATTAATTCAACTGCTGCAACAACCTTTCCCTCAGCATTATGCTGCTCCTCCCATGTCTTCTCTCCCA
CGCCCCCACTTTGCCATCAGGCGTGACCATGGCTCTTCTGCACCAATTCCGCATCGTTAGAGACAACATATA
ATCTCTCATCGCCGACCTCGAATTCCTCCAATTTGTCTTCTTCAATCAAACCAACTCAACCTTCGCCCTAACCAT

GGTTCAATCCCTTTTCTCTCTTCACTCTAACTCACTCATGCCTTTTAAGGCCAATCTTAGCCCCCATAGGGGCT
AACCTCAAAACCAACCATACCAATTCTCACCTCTCCAAAATTGGAGCAAAATCATGCATTTCCATTGTTATTCA
TATTAATTAGGGTTTAGTGAAGAAAAACAAGTGAAATGGTTCCTTTTATCAAGAGAACCAAAACCCACTTTG
TGAAAAATCCCAATTTAGGCCATCAAGGGAATTGGCCTCAAATTGGTAATATTGCACATAGCTTTGTTTTTTTT
GTTGATCTTCAAAGCCTAGAAAAGGCTTTAAAGATTTAACCCAAAAAACAAAAACATTTTACAAAAA
AAAAAAAAAATTGTATATTTTATCCTAAACACCACACCCCTCTTTTCTCTTCCATCACTTTGAAAAAATTGGA
ATTGAAAAAAGGCTAATATTTTCTCATCATCATTTTGTAAATTAACTTTTAATTAGGAAGTAAATTAAATGGAA
AAATTTTCAAGAAATTGGTGAGGCTATGGCTGCCCCACCTCTTCTTAAAATTTGTAGATTTTCTTTTCAA
ATTAATCACCAATCTTCAAATATTTTCTCTCTAGGGCTAGTGGATAATTTTCATTATTTTTTTTTTTTTTAC
AAATTTAATTTAAAAATAGTTTGGTCTAATCAACCAACATTATCTTAAACACATTATTTCCCTGGGTTAGGGGA
ATAATACCTTAATCTCTTTGATTAATTAACCTTAATTAAGCACATTAGTTAATTTTTCTGTGTAATTAAGTTT
TCATCAACAATCATGGTTGAACTTATGGGAGTTTACAACCATGTTATTTTTGGAAAACCAACCACAAATATT
GCATTTGGTTTAACTTTTTTTCTTTTTTCTTTGGTGCAATTAGGTTATTTTATAATTAGAAATTATAATTAGGA
TAATTAGGATTAAGCATGTCATGAAATTTGAGATATTCCATTAATGGATATTGGAAATCTCAAAATTAAAGCA
TTTTGCATATTAGCCCTTGGGAGATATTGGGTCCCTTTGGCTTTTTTTTTCTTTCTTTTCTTTTCTTTTCA
AACTAACCCAACCAACCAACCATGGTTAGGACTTAGGTCAACTTCATTTCTCTCTATCTTTTTCTTCACCCATT
CTTCCCATTTTACCTTTTTTTTTCTTTTCAATTCATCTCTCAATCATCCATCCTTTTATTTTCTGTGGTTGTGTG
TTCAAGCTTAGCACTTTCTTCTTTCATGGAGTTGGTGGAACCTTGAAACACTTTTTTTTTTAAATTAATTATGTT
TGTAAGAAGAGCCTTTTTTCAAAAAAAAAAATTGTCCTTTTTTATGGTTTGTAAATGAATTAGATGGTT
TAATTACTACCCTTTTTCTTTTTATGTTAAGGACTACTTTAATTCTCTCTACTAAGATCCATTAAGTTCTTCATT
AGTTGCATGCTCCTAATTTGCAGCTGCTTGAAAATATAACATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_15 NM_001054305 | Oryza sativa Japonica Group Os02g0686400 (Os02g0686400)
mRNA, complete cds

ATCAGTAGCCGCCTTCACTGACCGAGAGACGCCGTTTTCTCTCTTCCATTTTCTTCAAAACCTCAATCTCCCTT
CTCATTTCCATATACTCCAACCATGTCCGCTTCATCCCAAACCTCCGATCGACGAGCCGCTTTCTGCCGGCGATGA
ATCTTCAAAGCCGTCAGCAAGAAAGCCGCCAAGAAGGAGGCTGCAAAGCTAGAAAAGCTCCGCCGGCGCCA
AGAAGCAGCTGCAGAATCTGCTATTTCTCTCAACGTCGAGGACGATCCGCTTTCCGCTAACTATGGCGAT
GTACCACTCTCCGATCTCCAATCAAAGGAGGTTAAGAGTATTGAAAACCTGGACTCAGGTTGGCTCTTTGACGC
CGGAGCTTAAAGACAAGTATGTGATTCTACGGGGTCTGATTACAGACGATTCGTGCTGTTGGGAAGAAGATGG
CGTTTTTGGTGGTGAGAGAAAAGGGATTACCGTGCAATGCGTTTTGTCGGAGCAGCCGGAGCTTGTTAGTC
GCCAGATGGTGAAGTATGTTGATGGATTGAGCCGTGAGTCCATCGTTGACGTTGAAGGAGTTGTGTCTGTGC
CCAATGTTGCCATTAAAGGTGCTTCCAACAGGTGGAATTCAGTGAGGAAAGTATATTGCATCAGTAAGGC
AATGCCGACTTTGCCTATAAATATCGAAGATGCTGCCCGTAGTGAAGCTGAAATTGAGAAGGCCTTGCAGGCT
GGTGAGCAACTGGTACGTGTTAATCAGGATACGCGTTTGAACACAGAGTCCTCGATATGCGGACTCCAGCTA
ATCAAGGGATTTTTCGCATCCAATGGCAAGTTTCAACGATGTTTAGACAATTTCTGTTGGATGAAGACTTTGTT
GAAATCCCACTCCAAAATTGATTGGAGGTTCTAGTGAAGGCGGTGCTTCTGTTTTAGGTTGGATTACAAAG
GCTAACCCGCTTGCCTGGCTCAGTCACCTCAGTTACATAAGCAAATGGCGATCTGTGGTGACTTTGGGCGTGT
ATTTGAGATTGGTCCTGTTTTTAGAGCAGAAGACTCGTACACACACAGACATTTATGTGAATTACAGGACTTGA
TGTTGAAATGGAGATCAAGACTCACTATTCTGAGGTCATGGACATTGTGGACCGTTTGTGTTGCAATGTTTG
ATAGTTTGAATGAAAGATGTAAGAAAGCGCTTGAAGCAGTTGATAAACAGTATCCCTTTGAACCTTTGAAGTA
TTTGCGAAAACTCTACGACTTACATTTGAGGAAGGAATTCAGATGTTGAAGGATGCTGGCGTTGAAATTGAT
CCTCTTGGGGATCTTAATACAGAGGCTGAGAGGAAATTGGGACAACTCGTCTTAGAGAAATATGGCACGGAA
TTCTACATTCTTACCGCTATCCTTTGGCTGTTAGGCCATTCTACACTATGCCTTGCTACGATAACCAACTTACA
GTAACCTCATTTGACGTCTTTATTCGAGGGGAAGAAATCATTTCTGGGGCCCAGCGTGTGCATGTGCCAGAATT

TCTAGCTGAACGCGCACAAGCATGTGGCATTGACGTAAAAACAATAGAAACATATATTGATTCATTCAGATAT
GGTGCCCCCTCCGCATGGTGGACTTGGAGTAGGTTTGGAGCGCGTGGTGATGCTGTTTTGCGGTTTGAATAAC
ATTCGCAAAACATCGTTGTTCCCTCGTGATCCACAGAGGATTGCTCCTTAGGCATTTCAAGTAACACTGCAA
TTCCAGTTTTTGAATATACATTTTGTGCTTCTTTCTTTCTTTCTCCCTTCATAGGAAAGGAAAAACAACAAAT
TTCTGATCTACTGATTATTATGGTTTACTGAATAACAATTGTTTGTTCATCGTTGCAAATCCAAGTTTGCTT
TGAACAATCGTTACTTCATGTAGATTTTTATTATAGTTTTCTTTGTTTGAAATTGATAATTTGACAACTTCTCCA
AGTCAAACCTTTGTTCTTTTTGGGTAAAAATCGAAGAACTCTTCGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_16 AF148448|Sporobolus stapfianus polyubiquitin mRNA, complete cds

ATACAGACTCGAAATACTCTAACTTTCTCATCGCGCTTTATTCCTATTTCTGTAATTCGCTCTTCTTCAACCCCTC
AAGATGCAAATCTTTGTGAAACTCTCACC GGAAAAACAATAACCCTTGAGGTTGAAAGTTCTGACACTATCG
ACAATGTAAAGGCCAAAATTCAAGATAAGGAAGGAATCCCTCCAGACCAGCAAAGGCTTATTTTCGCTGGAA
AGCAACTTGAGGATGGTCGAACCTCGCTGATTACAACATACAAAAAGAATCAACCCTTCACTTGGTTCTCCGT
TTACGTGGTGGAATGCAAATCTTCGTGAAAACCCTCACTGGTAAAACCATCACCTTAGAGGTGGAAAGCTCTG
ATACCATCGATAATGTGAAGGCTAAGATCCAAGATAAAGAGGGTATTCCCCCTGACCAACAGAGGCTAATTT
CGCTGGTAAACAACTTGAAGATGGCCGGACTTTGGCGGACTACAATATTCAAAGGAATCCACTTTGCATTTG
GTGCTTCGTCTTCGTGGTGAATGCAAATTTTCGTCAAACACTTACGGGGAAAACATTACATTAGAGGTTG
AAAGCTCTGACACAATCGATAATGTCAAAGCTAAGATTCAAGACAAGGAGGGAGTTCCCCGGACCAGCAGA
GGTTGATCTTTGCAGGCAAGCAGCTCGAAGATGGACGGACACTAGCCGATTACAACATTCAAAGGAATCCA
CTCTTCACCTTGCTCCGTCTTCGTGGTGAATGCAAATTTTGTGAAAACTTTAACGGGAAAAACAATCACT
TTGGAAGTTGAGAGTTCAGATACAATTGATAATGTTAAGGCTAAGATTCAAGATAAAGAAGGGATCCCACCA
GACCAACAGAGATTGATTTTCGTGGTAAGCAATTGGAAGATGGTAGGACTCTAGCCGACTATAACATTCAA
AGGAATCAACTCTCACTTGGTGTTCGTCTTCGTGGAGGAATGCAAATATTTGTGAAGACCTTGACAGGAAA
GACAATCACATTGGAGGTTGAGAGCTCAGACACCATTGATAACGTTAAGGCTAAAATCCAGGACAAGGAGGG
TATCCCTCCTGACCAGCAAAGACTCATTTTCGTGGAAAACAATTGGAGGATGGACGTACATTGGCCGATTAC
AACATTCAAAGGAGTCCACCCTCCACCTTGCTCTTCGTGGTGGTATTTGAATCTCATGATCTCACATG
CTCATGTTCTGTGTTTCTCTTTATATTGCTTGCTTTCTAGTCTTATGTTCTGTCTAGAACTCAATTTACAAAT
AATACTAAAGTTCTATCTGCTTCTTTACTGTTTTACGATTATTCTCAATTCATTACATAAACAAGTTTCACACAAA
AACTGTAGCTCTTTTATTTAATCGAAGAAGCAAGAGTGAGAAATAGTGATTGAGATGACCGAATTCAGTAGT
CTTTTATTTATTTAACATAAGACAAAAAGCACACGACGATGTACTGCTCTCCCGTTATTTATTGAGGTGGTGT
GCATAGCTTAAGCGCTTAGAAGTAGCATTGCTGTGGGCGCGTACCGCACATGGATGGTAAGTTCCTAGCTGTC
TGAAGCATCTGCATTCTTTCTTGGCCTCGTGCTCTTCTGCTCTCCATCGCGATCTCCTGCAAGAGTTCGCAC
CTGCACTCCTCTTCAACATTCATGAGCTCACGACAGCACTCATCGAAGGCCTGTCTCTCTCTCTCTCTTGGTTG
TCGATTCCACGCATCTGCAAAACATACCTGCTCTGCTGCGACAGGTACTCCCCGCAGCTGCCGATCTCCTCGCG
CGCCCTCATCTGGCGGCACCTCTCCATCCCCCTTGGGTTTTCTTCGTCCACTTCGACGGTGGTGATGGTGGTGC
GGTGTGCATCTGCAATACCAAAGCCAACGCCAAGAGGGCAATGATGCTTGTGAGTCTCGCCATTGTTAAGA
GTTTTATGAAGTAAAAAGCCTCG

>trans_s_17 NM_112039|Arabidopsis thaliana Aha1 domain-containing protein (AT3G12050)
mRNA, complete cds

AATCTCCTGGATCTCTCCATTTTTCCACCTAATTTCCCTCTCTCAAGCTCCGGTGATGGCCAAGTTCGGCGA
GGGCGACAAGCGGTGGATCGTCGAGGAACGTCCCGACGGCACCAATGTCCCAACTGGCACTGGGCTGAGA
CCGATTGCCTCGAATGGTCCCCTAATTTCTCTCTAAGCATCTCTCTAGTCTCCCTCTTCTGACGGCGAGGGCG

GCCTGTTTCATCAAGACCAAGAAGGTCGACAAGGTTGATGGTGAGGCCTATGTCAATATTCGGAAGGGGAAGA
TAATTCCTGGTTATGAACTTAGTGTTACTCTCTCTTAGGAAGGCGAGGCCAAGGATTCCGCCGGCGAATCTCT
GCAGAAAGGTTGATGGGCTTGTTGAGATTCCGTATATTTCTGATGAGAATGCCGATGAGGATCCTGAAGTTAG
GGTTTCTGTAAAGGATGAAGGGCCGTTTGGGAAGAGAATGAAGGATGCTATGTTGGCTAAAGGGAAGCCGA
TTGTGTTGGAGAAGGTGAGGTTGTATGTGCAGAGTATGGCGAGGGGTGGCCTGCTAAAGATGATTGGAG
GCTAAAAAGGTCGAGCCGAAGAGTAATCAATCGACTCCTGCTGCGGCGGCGGCCGAGCAACTGCTCCTGCT
GCATCAAAGCCAGCAGTGGCGGCAGAGAAGAAGAAAGTTAAGAAAGGGTTCAAGACAATAACTCTGACTGA
GAAGTTCAGTTGTAGGGCTAACATCCTGTTTGAAATTCTCATGGATGACAATAGATGGAAAGGATCACTCAG
AGCAATGCTAAAATAAGCAAGGAAGTAGGTGGAGAAATCAGTATATTTGATGGGTCTGTCACCGGGAAGAAC
TTGGAGTTGGAAGAGGGGAAGTTGATTGTGCAACAATGGAGATTGGAAGCTGGCCTGATGGCATTCAATCC
ACGGTGAAATTGACATTCGATGAGCCTGAGCCTGGTGTACCATTGTGAAGTTGGTACACTCCGACGTGCCTG
AGGAGGACAGATATGGGAACGCAACTGTGGTGGAGAACACGGAAAAGAGGCTGGCGGGATCTTATATTCCAC
AAGATCAGAGCAGTTTTTGGCTTTGGAATATGATTGGGTACTTCTCCCTTACAACAGAGTCCAGTCCTTTGGTT
TCTTAAGAAGCTTCTCATTTGCATATCATCTTCATGAATGATAATGATTTGAAATGCTTAAATTTATATTGTCAG
ATGATGTAGCGTTCTCATAGTCTGTATTGTCTTACATCCATATTTGAGAATCAAAATTCATTGTTGGATTCTGAG
CTTTTGACATACAATGAGATACGATTGTCACCTCTTCTATCACATTTTGTCTTGTTATCTGTAACATGAACCAT
GTTAGTCTCGTTCACTTTCTTTTGGCCGAATAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCC
CCCCCAAAAAATTTATTAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCGGGCCCCATTCCCCCTAAGGGGGTTCTT
AAAACGGCGCCCCCGGGGCCGTTTTTAAAACCGGGGGGGGAAAAACCGGGGGGTCCCCAATTTAATC
CCTTTGGACCCCCCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCATTCCCCCTCCCAAATT
TTGCCCCCGGAGGGGGAAAGGGACCCCCCCCCGAACCCCCCTAAACCGGGGGGGGGGGGGGTTTAC
CCCCAGGGGGCCCCCTAATTTTGAAGGCCCAACCCCCCTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTCCCGCCTGT
TGGGGGGTTTCCCCGAAAGGCTTAAAGGGGGGGGCC

>trans_s_18 FJ839963|Hevea brasiliensis bHLH1 transcription factor mRNA, complete cds

AAAGAAAAACCCAATAAAATTTATTAATACTCTCTTACCCCTACCCCTCTCTCTCTCCATTCTTCCTGC
CAGATCTTTACCTTGCAGACCAATCTGGGCACTGATCTACCGAACTCTACCAAAAATCGTCCGATCCTCTTC
GTTTTCTGCCTGATTGAGCTCTGGAATCACGATTGGGTTTGTCTTTGAAATTAAGTGGAATTGGAGAATAGAA
TCAAGATGCCGTGGACTTCCTCTTTGGTGAATTACAGCAGCAAGTGTGTTGCTTGGTGGTCTTCTTTCGTGTC
ATTCTGTAATTTGTTTTGCATTGGAGGAAATTAACGTTGACTTTGTTAGTCTATCTTACTTTGCGGTTAATT
CACTTTTATATTACTGGTTGGAGGAGTGAGAATGTACATTGGTATAACGGGAAAGAGAAGCAGAGCTGTTGA
GGAAATTGGGAAAGTTAACATGAGTGTGGAATCATTGCCTACTACCAAGTATGCAAGTTTGCCAGGCTGA
GTACTTCCGCCAGTTGCTAAACCTGTCACGTAGGATAACATTGCAAAAAGTATTTGGACATTGGGGAGTTGG
GTGGAAGTGGCCTCCAGTTGTGCTAGAATGAAGAAATGAGATATTTCTTCTGTTTGTCTTTAATTTGATATAA
AGATCTTGCTTAAATTTAAATGGCAACATATAGAGTTGCTGTGTAGTCTTCTCGTTAGTTAACATCCATTTTAA
TTTTCGTAATATAATAGCAACCTCTCCTGGGAGAAGACACGATAACCTGAAGTTTGGAGAGTTTCCCGTTTGT
TGTTTCTTTTACATGGATTTTCATGCAGAGTGACCTCAACTTTTACCTCAAGAAGGCAACGCATCCACAGCAAC
CCAGGGGGATGATAATCATATGCAGATTCCTCTGTCATCTGCCTTTCTTCTGTTTTACCTCCTGGGAGAAAGA
ACTTGGGACCTTTCAATACTGTTGAGTTTCAACCTTCTGAAGTTTGTCCCAAAATTTTCATCATCTTTGACCACA
CTGACAATCGAAGTCAAATCATGTTTCATCCTGCAATTGCCAACAACTCAGTGGTCTACTGCAATATGTGC
TCAAAGTATATCCAAAAGAACTTCTGCGTCAATGACAACCATACGAAGATAGAGAAATATCATCCCCTTTGAT
GGAGGATTTGGACGATATTGATGCATTATTGAGCTTGGAACGAAAATCATGAAGACCTTGATGGATCTGA
AGATGACGAGGTCAGCACTGCAAGATCTCATTTGAACTATGGGAATCAATCCCCGATTCTTCATCCTCCTCCA

CTTATAGTTCAAACCCAGGAAGAATCACTCATTTAATCCTGTCCACAAGTCGTCAAGCAGTGGAAGCAGCTG
TAGCAGCGACATGAAACAATTAATACTGAAGAAAATGGTGAGAAAAGTCTCCCTGGTGGTTA
CCAAATGACGACAGTCACTGTTCTGGACGAAGCTGTCAAATACCTGAAGTCTCTGAAGGACGAAGTGCAGAA
ACTTGAGTTCGGGGGCTTGGAGAACTAAGGCTCCAAGTACGCCTTATGGTTGCATCAGCTATAGAAGTCTGTA
AGGATATATCCTGATTTTCTCTCTGCCACCTATTAATAAAGAGGATCCCATAATGTTTCACCTCACAAAGAG
ATTATTATTCGTTCTTCTGAATGTTTCGAGTTTCGTACACCTGTGTGAATGTGGAACCAAGATTCTTGTGTCAGGC
TCCACCAGGACTATGTTATTCATGTTTTGCTTCCATCTCTAGAAGTTCTGGGATTGATCTGCTGTTTCTATTGGC
ATTTGTTGATTTGCCGAATGTTATCTTTGATTTAAGATTGCCGTGTACTTCTTATTTTGTGTTTTGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_19 XM_002865934|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aldo/keto reductase family protein,
mRNA

ATAGATAGAGGGGGGACAAAAGTCGGAACGTAAAACCCTAACTCATCACGGAGACGACGAGGAAAAAGAG
ACGATTAAGAAAATGCAGATCTTCGTCAAAACCCTAACGGGGAAGACCATTACGCTGGAAGTTGAGTCCAGC
GACACAATTGACAATGTCAAGGCCAAGATCCAGGATAAGGAGGGTATCCCCCGATCAGCAACGGCTTATCT
TTGCCGAAAAGCAGCTCGAGGATGGGCGCACTCTTGCCGACTACAACATCCAGAAAGAGTCAACACTACATTT
GGTTCTAAGGCTTCGTGGTGGGATTATTGAACCATCTTTGATGGCATTGGCCAGGAAATATAACCAGGACAAG
ATGATCTGCCGCAAATGTTATGCGCGCCTGCATCCCCGCGCTGTCAACTGCCGTAAGAAGAAATGTGGTCACA
GCAATCAGCTGAGGCCAAAGAAGAAAATCAAGTAGACGGCTGATTTTAAGGATGAAATGTTGTGGTTCCTTA
TATATCACTTCAATGCGCCCCGTAGACTCTTAGATTATGTGCTCATTTGTTAAGAATTCTATTTTGTATTCGAA
CTTGAGAAATTTTATTGGTTTACATTGATTATGAGATGGTCTTATTTTCTTTTGAATCTATTTTATTGATGAAAC
GTGTTAATTTATTATTCTCACATCAATATCCAATTTGAACTCATCTACAGCCCTGTGAGCTATATGCACCAGCT
TCTCCTCGGGCACCTCTTGGTGCAGTTAAGTTTACCTTGCTGGAATAATTCTGTATCATTTTCGAGGGGACT
CTTGAGCTCCATTGTCCAACAGGTTCAATTCCTCTTGTGTAAGGTTCCAGCCTAGAGCACCCAAATTTTCTGA
GCTTGTTTTAATGTCTTAGCTCCAGGTATGGGTATGGTCCCTTTGGATATGCACCAGTTTATGGCAACTTGTGG
TATTGTTTTGCGTCTCTCTCTGCGATGTCTCCAAGTGTAGTCAGTAGTGATTCCAATCCTGGTAGAATTTGCCT
GAATAGCAAACCTCGAGGTCCAGATGGAAGTTTGGAGGGTGAGTATTTTCTGTAAGCATTCCCAATCCCAAA
GGACTGTAAGCTATTAGGCGAATGCCCCAAGAATCACATATCTTCTTAACCTCCAAGTATCATCGCCTATGCT
CAGTAAAGAAAATTGCACCTGAGCAGTGCATAAGGGAACCTCTCGGTCTTTTAGGTAGTCATATATCCTTACTA
GTTGCTTCGGTCCATAGTTGATTACTCCAAGTCTTGAACCTAATCCCTTATCATACATTGCCACTAGTCCATCCC
AAAGAGCCATCTCCTGTAAGGGAGCATAATTTGCTGTTGACCAATGTAATTGTCCTATACCGATTTTCTCCATCT
GCATTCGCTCCAAAGACCCCTGGCAAGCTTTGACAACTGTGCAGGTGTTAGGCGCCATGGATATGCTGCAAA
CTTGGTGGCTATACAATCTCATTTTTAACTTGAGATTGTGCGATAAATTTTCCAAGTAGCTTTTCGCTTTGGCC
ATTCAATCTTCCAGTGCCGTAAGAATCCGCAAGTGTGCAAGAGATTAATTCCATTATCCACAGCCAAATTGAAAA
TGTGTTGAAGCTCAGAGTCCATAGATTCTGGTAGCCGCACAAGAGTTGGTTCCCCACGCCCAAGTTCCAAA
TCCCATAGGGGAAACACTCAGAGGGCCATTTTACCTAGGAGCGCCATTGAATTGAATTTGGAAGCGGTTCA
ATTTGGATAATGAATAGAAATGTCGGATGAAAACAACTTCTGCCATGGCCAAAAGAGAGGAAGTTTGAGT
GGCTTGAAAGCCGCGGAGAAGAAGAAGAGGAAGCCTTGTTGGATGCGGCCGCGGTGAAGGATCCGAAGC
AGGAGGGGCTGAGTGCGAAGGAAGCCATTTGTGCCATCGATCTGGAGCTCGAGAACGGTAGTTGGAAGCGA
AAGGAAGGAGATGGAG

>trans_s_20 XM_002893549|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycoside hydrolase family 47
protein, mRNA

ATGAACTTATGCCACTAAGCCAGCATGGAAGTATGGGTTAGGAGGTTTGGGTGCTACAGTTGTGGACGCCC
TTGACACTGCCATGATAATGGGCGCTAGTGATATTGTCTCTGAGGCAGGCTCATGGGTTGAAAAACACCTTAT
GGATAGAATTAAGGAAAAAGGTCAAGTCAATTTATTTGAACTACCATACGTGTTGTAGGTGGTCTCTTAAGT
GCATATCACTTGAGAGCTGGAGAATATGGGAAGACCTTTGGAAATGAAGGACCCAAACCTGCTGTTTATCTAG
AAATTGCGAAGAACTTGGCTGATCGTTTGCTAAGTGCTTTTACCTCCAGTCCAAGTCTATTCTCTCTGTGATG
TTGTTTTAAAAGATTCTCTGCTCATGCAGCTCCTGGTGGATCAAGTAGTACATCCGAAGTATCTACTTTGCAG
CTGGAATTTAATTATCTTAGTACTGTTTCAGGCGACCCAAAGTATTCAATTGCTGCTATGAAGGTCTTGGAACA
CATGAAGAGCCTTCCGAAAGTGAAGGTTTGGTTCTCATCTATATTAGCCCTCATACTGGCGAATTTAGTGGT
GAAACCATAAGACTGGGATCTCGTGGTGATAGCTACTATGAGTATCTACTGAAAGTGTGACTTCAGAAGCGA
ACAAGCGGAAATAATAATTTCACTTACCTACATGATATGTATGAAGAAGCCATGAAAGGTGTTAAACATCTTCT
TGTTTCGGAAGTCTATTCCAAATGGGTTGGTTTTTGTGGAGAATTGCCCTATGGATCAGATTCTGCTATTAGTC
CGAAGATGGATCACCTGGTATGTTTCTTATCAGGTACCCTTGCTCTTGGTGCTACCAAGGGCATCACCAGGA
AGAAGCCATGAGTAAAAGCTTGTTGAGCTTTGATGATCTGGAAAATCTAAATCTGGCAGAGGATCTTGCAAAA
ACTTGCTTTGAAATGTACGAAGTAACATCTACCGGTCTTGCCCCAGAAATTGCTTATTTTCATACTGAGGAATA
TTCTGAACAAGGCCATGATGGTGGAAATAAAAAATTCGAAATACATAGATGACATAATAATCAAGCCACTGGAT
CGTCATAATCTTATGCGGCCCGAAACAGTCGAGTCATTGTTTGTCTGTATCGTATCACAGGCAATCCAAAGTA
TCGTGCATGGGGGTGGGAGATTTTTGAAGCATTGAGAGGCACACGAAGGTTAGTAGTGGTGGATATACATC
ACTGGATGATGTCACTACAGTTCCTCCTCGGAGAAGGGACAAAATGGAGACATTCTTCTGGGGGAGACTCTC
AAGTATTTGTACTTGCTATTTGGGGACAGTTCACGATTCCATTGGATAAATATGTGTTCAATACTGAAGCACA
TCCTCTACCAATGGAAGGCAATATTCAGATTCAATGATACCAAAAATTGTGTTTGGTGGAAAGGTCGGCAAA
AATCGTACCACATTAGCTCACGGAAGCCTGTTATGGTAAAATGGAATAGAAGGTTTAACTTGCCAATTTACAT
GAGGTGCACTTGCTCATATCTCGATAATTTAACCTTTTAGTTTAATTATTATTTTTTTCAAATATAGGTTTTT
GTTTTTCTAGTCTCTACATCATAGTCTAGCTTAAACAAATAATTTGGTTCATCGTTAAAATTTGTGCACAATGTA
ACCATTTTTCTAGTTTTCTCAAATAATTTTTGTTTTTAAAATTTGAAATGCTAAGTTGAATATGAGTATGAAGTT
GTACTACAGTAGCGGCTAGTTGTTTCCGTTTATTTCACTCAATAGTTTCAGTGCTATTCATCAATTGAGTGCA
TAGTTTTTTATTTGAATTTAGTCTTTGAGTTTTTAATTTACATCAAATAAATAGTTGTAATATCGAACCATTGA
CTGCATTGCTATTGATATTTTTACCAAAGAAAAAAAAAAATTATTCTACCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_21 XM_002316814|Populus trichocarpa Sec61 transport protein, mRNA

CCTCTTGCTGCGACACGATAATTGACTATAAGGAAGATGGGAGGTGGGTTTAGAGTCCTTCATCTGGTCAGGC
CATTCTTTTCGTTTCTCCCTGAGGTGCAGAGTGCCGATCGGAAAATTCCATTCAGAGAGAAGGTCATTTATACT
GTCATCGCACTTTTCATCTTCTTGGTATGCAGCCAGCTTCTCTGTATGGGATTCATCCACCACGGGCGCAGA
TCCGTTTTATTGGATGCGTGTTATCCTAGCTTCCAATCGTGGTACCGTCATGGAGCTTGGGATCACCCCATCG
TCACATCTGGGATGGTGTATGCAACTCCTCGTTGGATCCAAGATTATTGAAGTCGACAACAATGTGCGGGAGG
ATCGTGCACTCTTAAACGGTGACAGAAATTGCTGGGCATCCTCATAGCCGTTGGTGAAGCGGTTGCTTATGT
TCTTCCGGAATGTATGGTAGCGTTAGCCAATTGGGGTGGGAAATGCTATTCTTATAATTGTTTCAGCTGTGCT
TCGCCGGTATTGTTGTCATATGCTTGGATGAGCTTCTCCAGAAGGGATATGGTTTAGGATCTGGAATTTCCCTC
TTCATAGCAACGAACATGTGTGAGAACATTATTTGGAAAGCATTTAGTCCGACCACCATTAACAGTGGACGAG
GAGCTGAATTTGAAGGAGCTGTCATTGCTTTATTCCACCTGCTGATTACCCGGACGGACAAGGTTTCGTGCATT
GCGGGAAGCATTCTATCGACAGAATCTCCGAATGTGACAAATCTGCTTGCTACGGTTTTGATCTTCTTAATTG
TCGTCTACTTCCAAGGATTCCGGGTGGTTCTGCCTGTGAGGTCAAAGAACTCCCGTGGACAACAGGGTTCTTA
CCCAATTAAGCTTTTCTACACCTCCAACATGCCTATCATTCTTCACTCTGCTCTTGTTTCCAACCTTTACTTCATCT
CTCAGTTGCTGTACAGGAAGTACAGTGGGAACTTCTGGTGAATCTTCTGGGTATATGGAAGGAATCTGAGTA
TTCAAACGGCCAATCCATCCCTGTTGGTGGCCTTGCTTATTACATTACCCACCATCAAGCTTAGCTGATATGGC

AGCCAATCCCTTCCATGCTTTGTTTTATCTCGTCTTCATGCTATCAGCATGTGCACTCTTCTCTAAAACTTGGATT
GAAGTTTCTGGTTCCTCCGCCAGAGATGTGGCCAAGCAGCTGAAGGAACAACAAATGGTCATGCCCCGGACAC
CGTGAATCTAACTTACAGAAAGAGTTGAACCGTTACATACCCACAGCGGCAGCATTTGGAGGAATGTGCATTG
GTGCACTGACCGTGTTGGCTGATTTTCATGGAAGCAATAGGTTCTGGAAGTGAATTTTGTTCAGTGACAAT
TATTTATCAGTACTTCGAGACTTTGAAAAGGAGAAAGTCAGCGAATTGGGTCTGTTTGGTTTCTAACTTTTT
TTTGTTGCGTTTAAGTTATGCTTTGGTGGTGCCAAAGAGCTCCCTGTCAATTTTGGTGCCTAGGGATTGTCACA
ACTCTCTTAACCTTAACAAATCTTAAGATCTAAAGTCGAAGAAGCAGGTAAACTTCTAGCTTTTGGTTCACTGT
AAGAGCACAGAGATATCACATCCTTGAGATTCTGAATCTCCACGTCTTCTTATGTGCTTCTACTTCCATAGTT
CCATGTTTCATAGTCTTTTGCCGCAACAACAATACGGTCGTAGATTTAACAGAAAAAAGAACGAGTTGGGT
TGTAAGGCTAGCCTAGGTTATGGTTTGAAGTCTGAACGCGTGGTAGCTGAAAGGATGTCAGATTGTTAGTCAAA
TTAGGAAAGCAAGCCACTGTGATTATAGGCTTTTGAAGTTCCAATTTTCAATTTGTAACAATTGAAGTATTTGT
TTTTGGCCTTCTGTTTTATATGTGGAACAATTGGTATTTAGAGAACCATTTCATCACACGTCTTATTTTACTCT
TT

>trans_s_22 GU013763 | *Eucalyptus grandis* xyloglucan galactosyltransferase (MUR3) mRNA,
complete cds

AAGTTTGCCCCTTCTCGTGTAGTAGATGCGCCGAAAATTGATGTGAAATCAATTCGTGAGCCTCCGAAGCCTG
TTGATCGGGAGCCTAAGTTCACTGCCAAACCTGAGATTGAGACATTTCCGTTGTTAAAGCATTGAAAAGTGT
GAAAATAAGAGTGATCCATGTGGCGGGAGGTATATTTGTTTCATGATCTTCTTCTAGGTTTAATGAGGATA
TGTTGAAGGAGTGTAAGAGTCTAAGCCTTTGGACAAATATGCGCAAGTTCACAATAATGCTGGGCTTGGTCC
ACCACTTGAAAATGTGGAAGGAGTGTTTTAGATACAGGCTGGTATGCAACAAATCAGTTTGCAGGTCGATGTG
ATTTTCAGTAATCGAATGAAGCAATATGATTGTTTACTAAGGATTCTTCCATTGCTGCTGCTTCTTCGTGCCA
TTTTATGCTGGGTTTGATATTGCGAGATACCTTTGGGGATATAATATATCTACTAGAGATAGAGCTTCACTTGA
TTTGGTGAAGTGGCTCGAGAAAAGGCCGAATGGGGCATTATGGGCGGTCGAGATCACTTCTTGTGCTGG
TAGGATCACATGGGATTTAGGAGGCTTTCTGAGGAAGAAAGAGATTGGGGAAACAAGCTTCTGTTTTTACCT
GCTGCTAAGAACATGTCCATGCTTGTAGTTGAATCAAGCCCATGGAATGCCAATGATTTTGGTATCCATATCC
AACATATTTCCATCCTGCAAAGGATTCTGATGCTTTATTTGGCAGGATCGGATGAGAAAACTCGAACGGAAA
TGGGTGTTCTCTTCGAGGTGCTCCACGCCCCGACAATCCCAAGTCAATAAGAGGGCAGATTATTGATCAAT
GTAAGAATTCTAAGGTCTGCAAGCTGCTGGAATGCGATTTTGGGGAGAGCAAGTGCCATTCTCCTGGTAGTAT
AATGCAAAATGTTTCAGAGCTCTCTTTCTGCCTGCAACCTCAGGGCGATTACATACCCAGAAGATCTGCTTTCG
ATGCGATGTTAGCCGTTGCATACCTGTCTTCTCCATCCGGGATCAGCATAACCCCAATATACTTGGCATCTC
CCAAAGAATTTTACAAGATATTCAGTATTCATCCAGAGGATGATATCCGCAAGAGGAACATTAGCATAGAAG
AAAGGCTTGCTCAAATTTACCTGAGCAGCTGAAGCTAATGCAGGAGGAGGTCATCTCTATGATTCCAAGATT
GGTATATGCTGATCCGCGCTCCAAGTTGGAACCTTGAAAGATGCTTTTGTATGCTCTGTGCAAGCGATTATCA
ACAAGGTGACAAAGTTGAGGAAAGACATAATTGAAGGGCACACCAATGACAATTTTATCGAGGAGAATAGTT
GGAAATATGAGTTACTGGAAGATGGGCAGCGGGAAGTTGGACCTCATGAATGGGATCCTTTCTTCTCTAAACC
AAAGGATGGGGATTCTGGTGATACGTCGGCCGAAGCTGCAAAAAATTCATGGAAAAATGAGCAGAGAGACA
AATCATGAAACTGATCGGCTGAAGTTGATTGATACGTCAGTAAACATACCATTGGCGGTTAATTAGCTCAAAT
AGAAGCCTAAAGAAAAGCTTCCAGCATCAAACCAAGGACTTCTTTTATAGATTGAAAGCTTAATCATCTCCA
GCTAAACAGGGCTGCCCTTCAAAAACAAAGCAGTGAGTATTTGCTGTCCTATTAATTATAGTTTTGTTATACAG
AAATCATAGTTCTTTATTACATGCCTTCTCAGTAATTCTTTGTATTGAGAGTTGTCATTTTATTGGCCAGATTTT
TCTTCTGCAACAATGCACAAATCATATGATTAGATTTATTAGTCATGAATGCTTCACTTTTTTTGAAGTGAGC
ATTAATTCTCATCTTAGTGGAACGATACCCGAATTGAGTTATATTATTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_23 AB182628|Glycine max Gm pdil-1 mRNA for protein disulfide isomerase-like protein, complete cds

AATATCGTTTTACGGAGAGCTTCTTCTCCAGTGCTTCAACAATGGCGTCTTCTGCTTTGATTGCTTCTTTCTCT
TTGCTTCCCTTCTATTCTCTGCTTCTTTCTTTGAGATCTACGCTGAAGAGGCTGAGGCCAAGGAGTTTGTGCTTA
CCTTGGACAATTCCAACCTTCTCTGACGTTGTTTCCAAGCACAACTTCATCGTCGTTGAGTTCTACGCCCCCTGGT
GTGGGCATTGTAAGAACCTGGCTCCTGAGTATGAAAAAGCTGCCTCTGTTTTGAGCAGTCATGACCCTCCAAT
TACTTTAGCCAAAGTTGATGCAAAATGAGGAGTCAAACAGAGAGCTGGCAACTCAATTTGAAATTAGGGGGTT
CCCCACCATTAAAGATACTGAGAAATGGGGGTAAATCAAGTCAAGATTACAAAGGACCTCGTGATGCAGATGG
TATTGTTGACTACTGAAGAAGCAAAGTGGGCTGCATCTGCTGAAATAAAATCTGCAGAGGATGCCAATAAT
CTCATTAAGAATGTTTTATTGTCGGGATATTTCAAAGTTTTCTGGAGAAGAGTTTGATAGCTTCAACGCTTT
GGCTGAGAAGTTGCGTTCTGACTATGATTTTGGTCACACTTTGGATGCTAAGCTACTTCCGCGTGGAGAAACA
TCTGTATCTGGCCCAGTTGTTAGGCTTTTCAAGCCATTGATGAACAGTTTGTGATTTTAAGGATTTTCGATCCA
GCTAAGTTGGAGAAGTTCATTGAAGCATCTAGTATTCCTATTGTAACGGAGTTCAATAATGATCCTAGCAATCA
TGTATACCTTTCCAAGTTCTTCTCCAGTTCTAATGATAAGGCTATGCTTTTTCTGAACTACACCACCGACGCTGC
TGATTCTTTGAAATCCAAGTACCGTGAAGTTGCTGAACAGTACAAAGGAGAGGGAATAAGTTTCCTAATTGGA
GACAGCGAATCCAGTCAAGCTGCTTTAACTATTTGGACTCAAGGAAGATCAAGTGCCTGTCCTTCTGTGCA
AAAAAATGATAGGTTTAAGTATGTGAAATTCAATGTGGAGGCTGATCAGATTGCTCCTTGGGTGAAGGATTAC
ATGAATGGCAATGTGCCACAATTCATAAAGTCAGAACCCATTCTGAGAGTAACAATGAACCTGTGAAAGTGG
TTGTTGCTGATAGCATCCAAGATGTAGTCTATAAATCTGGAAAGAATGTTTTACTGGAATTTTATTCTCCATGG
TGTGGACACTGCAAAAACTTGCTCCAACCTTAGACGAAGTGGCTGTCTCATATGAAAGCGATCCTGATGTCA
TTATTGCTAAGTTTGACGCCACGGCAAACGATATTGCAGATGGTGATTTTGAAGTCCAAGGTTACCCTACTTTG
TATTTAGATCAGCAAGCGGAAAGCTGGTCGAGTATAATGGTGATAGATCCAAGGAAGACATAATAAATTTCT
ATTGAGACAAATCGGGATAAACTGCAGAGGCAGATACAAAACCTGAGGACACAGAGTCAAAACCTAAGGA
ATCAAAGCCAGATTCAGAAGCCAAGGATGAGCTCTAAAAAGGGAAGCAAGTCTTTTGTGATTGAAGAGCTG
AGACCTGAAAGCCATCTGGGGGTAAAGTAGCTGTGCAGCTTGAGTTGTTAGGGACATGTTTTGGCAGCAGCT
GCTATTCCCATGGAAGTTGACAATAGTAATTAGCACAGAGCATGTGATCTGATCCTCCTTTTTCTGTTTTTTCCA
AATCTCACTTTTTCTCATCTTTTTTTTTCCCCCTTAATATTTCAAAAATAAACAATAATGTGCAATGCAATCTCTT
TGCTTTTGGAGTAGTTTTAGTTCTATTATCCTCTCTTCTATAATGTAACGATTATGTGACAGTATAAACATCTG
AGTTACCTTTAATTTATAGGCGGAGTTTAATGCTGCGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_24 AF188832|Fragaria x ananassa annexin mRNA, complete cds

GGGGGAGGTACCGTTGTAGGCCACGTCGAGCAATCTCCGGTGGAGGCGTGGATTTCAGACGAGAGTTGCT
AAAATTCAAACAGAAGCTCACCATTTTCAGTATTTAAAGAAGAGGGTAGAGACAGTGTGAGAGCATTCCCCAC
CTTAATCGGCACACATACCCAACTCATAAATCCATCTTTACTTTCAAGTTATGGCCACCCTTCTTGTTCTCATGA
TGTTCTCCCCCAAATGTTGATGCAGAAGCCATTAAAGCCGCTTCCGAGGCTGGGGTACTGATGAGAAGGCC
ATCGTTGCCGTTCTGGGTTACAGAAATGCACCTCAGAGGAGGCAAATCAGGATTGCTTACGAACAGCTCTTCG
AAGAGGATCTTGTTAAGCGCTTTGAATCTGAGCTCTCTGGCCACCTCGAGAGAGCTGTATACCGATGGATACT
AGATCCAGAGGACAGAGACGCTGTGTTGGCTCACGTCGCCTTAAGGAAGCCCAATGAAGATTTTGCAGTTCTT
GTTGAATTTTCTGCAATTTACTCTCCTGAAGAGTTCTTGGCAGTCAGAAGAGCGTATCAACACCGGTACAAGCG
ATCATTAGAGGAAGATGTTGCCGCCAACACTCACGATGATTTTCGCAAGCTATTGGTGGGGTTGGTGAGTGCA
TATCGTTACAATGGTGGAGAGATAGATGCAAGATTAGCCAAATCAGAAGCTGAGATACTTGAGCGTGCAATT
AAAGACAAAGCCTTCAATCATGAAGATGTTATAAGGATCCTAACCAAGGAGTAAGGCACAGCTGATTGCA
ACTTTCAATCACTACAAAGATGCCAATGGTATTTCTATCTCTAAGCAATTGGGCCAAGATCGTGCTGCCAATGA
GTTACAGAAAGCACTTAAACTGTGATTGATGCATCAACGACCCTGTAAAATACTACGAGAAGGTGGTGCGA

AATGCAATCAAGAAGGTTGGGAAGAGCGATGAGGATGCATTGACTCGCGTGGTGGTGACGAGGGCGGAGA
AAGACTTGAGGCAAATAAAGGAGGCTTATCACAAGAGAAACAGTGTTACCCTTGATGATGCTGTGAAAAAGG
AGACCTCTGGCGACTATAAGCACTTCATCCTTGCTCTTGGTAACCAAAGTAAAGCACTGCTTCTTG
AATCCACAATAACATATATTACGTATGAGTGTTTAATCGGCTTGTAAAGTAGTTGGTTTATTAAAATAATAAGC
TGCTTCGTGCTCTTGAGACTTGTTGTGTTTGTGAAGAATGCTTGGTTTTGTAAATGAGGACATATTTATATTAAT
TAAGCTGTGTGTTGTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAGGGGCGCCCGGGCCCGGAAAAATTAAAGAAAACCGCAAACCCGGGGGGGGGGCGGGGACCCAAATT
CCCCAAAAGGGGGGGGAAAAACGGGGGCCAGGGGGGGGTTTTAAAAACGGGGGGGGGGGAAAAACC
GGGGGGTAACCAAATTAAACCGCTTGGGAGAAAACCCCTTTCCCGGGGGGGGAAAAAAAAAAGGCC
CGCCCCAATCCCCCTTCAAAAATTGGGGCACCGGGAAGGGGAAAGGGAAGGCCCCCGGAGGGGCGAAAA
AAGGGGGGGGGGGGGGGGGTAACGGGAAGGGGGACCGAAAAATTGGGCGGGGCCAAGGGCCCGCCT
TTTTGTTTTTTCCCTTCTTTGCGGCCAGGTTGGGGGGTTTTCCCGAAAGGTTAAAAAGGGGGGGCCCTTT
TGGGGTTCAAATTAAGGGTTTAAGGGCCCCCAACCCAAAAAATTGGAAAAGGGGGGGGTTACAGGAGG
GGGCCACCCCCGAAAAGAGGGTTTTCCCCCT

>trans_s_25 AF184884|Benincasa hispida class III chitinase (Chib1) gene, complete cds

TATATTACGATCTCCATTTTGGAGGATTATTGCATCAACACATTACATAAACGAGGAAATACAAGCATCTCCTA
CCGAAAGATTCTTATATAGACATACAACTACACATTATTTATTAATTAGACTTTATATCATTCGAACTCACAAGT
ATAGTTTCGTGTTTCACACACACACAATATATTAGACACTTCTGATAATTGTAGAACTATATCCTGTTTGTGT
CCCAATATCGTGACCACAACATTACTCCTCCATACCTTCGTGATCTTTTTATCTTTGGAAGGATTTGTGAAGTCA
ACACTCGAGGTGGAATGTATCCACTTCTGCAGCTCCTCTAGCTGCTGGCAAGCCAAGGAAGATCTTCCCCGA
TCCCTTCACTAATGTTGTCCAACGGTTCACGATGCTATGATCTTATTAACGTTGCCAGCTTCATACTGGCATGG
ACCATTGTTGTAGAACTGAACCCAAACGTAGTCAAAAAGGCCTGTGTCAAGGGCTTTGCCAAGAAACCTGTCT
GGGAATGGACATTGAGGAGCAGCTGATAAGTACACTCGTTTGTGGCTTGTGCAACCCTTTTAGGTACCTTG
CAAGAAATTGCCAATTTGCCGTGGATCCGAGCTCGATGTCAAAGTCTATTCCATCCAACACCGCATTGCCCAGC
GGGCGAGTGAGTATCGGCCACCAAGGTAGTTGTTGTAGAGATAGGTCGCAATTTTCTAGCATCAGCAGGG
GAAGCCAGGGAGTAGCTTCGATACCACTCCAATGGAGAGAAGAAGTTGATCCCTTTGCTTTGGCAGAACT
TTATGTTTTGGCTGGCTATCTTGCAACCACCATTTGCCGGGTGCAATGTCCAGAGAGGTTGATCGACGGGGT
GCGACCGCTGCCGAACCTGTTGAGAAAAGCAAGCATAACATACTTGATCTTCCTGTGGAACATGCTTCTCTTA
GAGTTCCTTCAGCACCACTTTGGCCCAATAGATGGCAATGCCACCTCCATAGGAGGTTGAAACATGAGCCAA
AAAAAGGAGAGATAGAATTAGTAAAGCCACCGTTTACCGAGAGAGAGAGAGAGAGAGCAAGAACCGAAATA
TAGAGAGAGAGAAGAATATCTCAGAAACATTTCCCGAATTCTTCTTACCACCAATCTCACACCTAAAGATT
GTTCTTCTCTTTCTCCCTAGATCTTCTGATTCACTTCCCCTTCTCAAGTTTCAGCCATGGCTAACGCGGCAT
CGGGTATGGCTGTTTCATGATGACTGTAAGCTTAAATTCTTGAGCTGAAGACCAAGAGAACCTACAGATTCAT
TGTATATAAGATTGAAGAGAAGCAAAAGCAAGTCACTGTGGAAGGTTGGCGAGCCAGGTCAAAGCTATG
AAGACTTCACAGCTGTCTTCTGCTGATGAATGCCGATATGCCGTTTATGATTTTGAGTTTCTGACAGAAGGG
AATGTTCCAAGAGCAGAATTTTCTCATTGCTTGGTCTCCTGACACATCAAAGGTAAGAAGCAAGATGATCTA
TGCAAGTTCGAAGGACAAGTTAGAAGAGAATTGGATGGCATTCAAATTGAGCTCCAAGCTACTGACCCATCT
GAAATGGATCTCGATGTTTTTAAAGCCGTGCTAAATGAGGCTTCTCGTTTTCAAATCTTGTGGTGTCTGT
TTTACATTGTGAAATGATGTTATTAATTGCTGGGTTTATGGATGTGCTTTGATTACACATTGGGTTGTTTTAAG
TTTTGTCTTATAGAATTGTGTCCATCTGGAACAATCTCGGTCATTTTCCCTCCTTATATTGTATGATTTATCG
TGTGGAATTAATGCAATATCTCCCTATGTAACGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTCCTTTTAATATGC
ACAACACGTCTAAGATGATGTCTGACCTTTTTGTTTTAGA

>trans_s_26 XM_002884625|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RabGAP/TBC domain-containing protein, mRNA

ATTGTCTCTGCCTTTGTAATTTCTTTTTGGGAAGAATCGATTCTCTCCATTTTCTTTTTCTTCTTTTATAATT
TTAATTAATGTAAGAGCCGACTCCAGAAGGCAATAAATTAATTGAATTTTTTTAATGGCGGATTTGATGGCAA
TGGTGGGGAGTTTTTGGAGAACATTTCTTCTGTGTAGTTGTAGATTTTCTCCGTGGAAGTCCTGGGGATAAG
ACCCATTTTTGTGAAATTCAGGTACGCAGCCTTTCTAAAGCTCCAAATTAGACCAATTCTCATGGTTTGAAGCT
GGTGGAGTTTCTTATCTGACGAAATCATTCAACCTTTTGATATTAAAGAACCAAAATCACGAAATCCTTTTCT
TTTTTTTTTTTTGATTTCTTGATCTAATTTAGATTAAACCCACCAAGAAATGTTTGGGACTCAAAGCAAAAGAGA
TATTGCTTTAGAATTGCAAGCTCAGATTCCAATTCTAAGGCCGAGTATCCATGCGAGAAGGGCAAATATTACA
GTTAAGTTTCAAGATCTATATGGGTTTACAGTGGAAGGCAATGTGGACGATGTTAATATATTGAATGAAGTTA
GGGAAAAGGTTAGGCAACAGGGTCGTGTTTGGTGGGCTTTGGAGGCTAGCAAAGGCGCTAATTGGTACTTAA
AACCTCTGTTTCTGAAGGGATCGCCCTCAAATCCTCCCTCAAACCTATCAACGCTTGCTAATGCCATCATTGGA
AGAAGTTGATTAGGAAAGGTATCCACCTGTTCTTCGTCCCAAGGTTTGGTTCTCCTTATCTGGAGCTGCCAAG
AAGAAATCCACTGTTCTGACAGCTATTACAATGATTTGACCAAGGCTGTTGAAGGGAAAGTCACGCCGGCCA
CTAGGCAGATTGATCATGACTTGCCCCGACTTTTCTGTCATCCTTGTTAGACACTCCAGAGGGTCACGCT
GCTCTTCGACGTGTTCTTGTTGGGTATTCTTTCGTGACTCTGATGTTGGATACTGTCAGGGCTTAACTATGTT
GCTGCATTGTTATTGCTCGTGATGAAAACAGAAGAAGATGCTTTTTGGATGCTAGCTGTCCTCTTAGAAAATGT
TTTAGTTAGTGACTGTTACACGACCAACTTGTCTGGATGTCATGTCGAGCAAAGGGTGTTCAAAGATTTACTTA
CCAAAAAGTGTCAGGATAGCTGCCATCTGGAAGCATTGGATTTTGATGTCTCCCTGTCGCCACTGAGTG
GTTCTGTGTCTTTTCTCTAAGAGCCTACCTTCTGAGACGACTCTACGTGTTTGGGACGTCCTTTTCTATGAGGG
AGCAAAAGTTCTGTTTCATGTGGCTTTGGCTATCTTAAAGATGAAGGAAGGGGAGTTGCTTCTAACTCATCAT
GTGGGAGATGTGATTAATATTCTACAGAAGACCACACATTACCTATTCGATCCTGATGATCTACTGACGGTAG
CATATGACAAAATTGGATCAATGACTACCAACACTATATCGAAGCAAAGGAAAAAGCAAGAACCAGCAGTTA
TGGCAGAGCTTGATCAGAGATTGAGGCGATTAAATCCCTTAAAGCGGATGACAAATAAGATCCCTTCCATTC
CAACCTATCAAGCCTGATCAAACCTGTAACATTATAGCTATACACGACTTTGCTTCCCTGCCTGAGAGAGAGTAA
AGTAAAACCAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGG
AAAATGTAAATTACCAACGCTGTTAATACTTTTTATATATTGTTAATTACACTGCTTGACAGAGAGAGCATTGT
GGGTTTCCCTTGCTCTATAATTTCTGTTCTGATTAATGAGTAATCTCTCAATCGAATCAGATTTTTATTTATTC
CGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGG

>trans_s_27 FJ796239|Glycine max cultivar Williams allantoate amidohydrolase mRNA, complete cds

GGAGCCATAAGCCAAAAAGCTAATTTCCAATTCCACAAAAAGGCTTCCGCCCTCCGCCGCTCTTCTTCTTCTT
CTTCCTATCCGTTACCCCCAGCCGCTCCCATGGCCATTGCCTATTCCAACCTCCGATTCCCTTACCGCTTTTCTCA
TCAAGGCCGATCATCAACATCATCACTATCACCACCACCACCACCATTATTATTCTTCTTCTCCGTTTTCTT
CCCCTATCTGCTCTTTTCTTTTGTTCATCTCTCCACCGCTTACGCATTACCCGAGATGTAGCTGAAGAT
TCAAAGAACAGAAGGGCTGATTTGTTCTGTCAAATTCTTAAGGACGAGGCAGTAGGGAGATTGAACGAACTA
GGAAAGGTGAGTGATGCTGATCGATATCTTGAGAGAACGTTCTTGAGTCCAGCTTCTATCAAAGCAAGATTTT
TTCTTCAAAAATGGATGGAGGATGCTGGATTAAGAAGCTGGGTTGACTGCATGGGCAATCTACACGGTCGAA
CTGAGGGAAGGAATGCAAGTGCTGAAGCATTACTGATTGGTTCTCATTGGATACCGTTGTTGATGCTGGAAA
ATTTGATGGCGCACTTGGCATCATTTCCGCTATCTGCTTTAAAGTTCTTAATATGAATGGGAAGTTAGAGG
AACTAAAAAGGCCAATTGAGGTAATTGCTTTAGCGATGAGGAAGGCGTGAGGTTTCAATCAACATTCTTAGG
AAGTGCTGCTATTGCTGGTATTTTACCAGTTTCATCTTTGAAATATCAAATAAAAGTGGCATGACCATAAAAG
ATGTAATTACGGAGAGTGGAGTACAGATAACAGAGGAGAATTTGTTGCAACTCAAGTATGACCGCAAATCTG

TTTGGGGATATGTTGAGGTTTCATATTGAACAAGGTCCCGTACTCGAGTGGTCTGGTTTTCTCTGGGAGTGGT
TAGAGGCATAGCTGGGCAGACACGGCTAAAGATTGCAGGTTACAGTGAGAGGTTCTCAGGGGCATGCCGGA
ACGGTCCCAATGCCCATGCGCCAAGATCCCATGGCAGCTTCAGCTGAATTGATTGTACAATTGCAAAAACCTCT
GTAAGCAACCAAAGAGCTACTTATCATTAGATGGCCATTGCACTGATTCTACATTGAAATCACTTTCACATCC
CTTGTGTGTACCGTTGGAGAGATATCAACATGGCCAAGTGCAAGCAATGTCATTCCAGGCCAGGTGACCTTCA
CTGTAGATTTACGTACTATCGATGACATAGGACGAGAAGCTGTAATTTATGAATTCTCTAACCAGGTACATAAT
ATATGCAGCAGCCGGTTCGGTTTCATGCAATATCGAACGTAAGCATGATGCAAATGCCATAATTAGCGATTCCG
AGCTGAGCTCGCAACTGAAATCTGCTGCTTCAACTGCACTCAAAAAGATGGTAGGCGAGATTCAGGAGGAAG
TACCTGTGTTAATGAGTGGAGCCGGGCACGATGCAATGGCAATATCTCATCTGACAAAGGTTGGAATGTTGTT
CGTCCGTTGTCTGGAGGCATAAGTCACTCCCTGCCGAGCATGTATTGGATGACGACATTTGGGCTGCGGGT
TTGGCGGTCTTGGAATTTCTAGAAAACCATCTGTAATATATGTACCCTTTTGTTCCTTGTACGAAAAATCTAGT
TAGTAACTTTGTACAAGTGCTACATGTTAATTCAATAGTACAATCCATCTTCGTAGACTTGCTATTCCTTCACTT
CAATGTACCAAAAAAATAATGAACTTACGATGCTGTATGTAAATTCGATTTTACAACCCATCTTCGGTGGGT
TGTATTCCAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_28 NM_115831|Arabidopsis thaliana IQD13 (IQ-domain 13); calmodulin binding
(IQD13) mRNA, complete cds

AGGAGAGGTTTCATGAGAATAACAGCAGAAATGAAAGGAAAGGAGATGGGAAAGGAGAGTCCACTTCTTTCA
TTCCTATCTTTAGGAAGCCGAGCAGTGTGCGAGAAAATCTTTAGTGATTTTGAGAGGGAGCAGCAAAATAGTAGC
TTTCCGGCCTCCGGCTCCTGAACGGCCATCTACACCACCCTATACACCTTCTCAACCAGCTCCCACTCGTGCTCC
TTCTCCTCCTAGAGCTGCTCCTGCCAAAGAACCATCTCCAAAGATTTCCCTCCTACAAGTCTCCTGCCAAAGA
ACCATCTCCCAAGGTTCTCCTCCTAGAGTTGCTTCTCCTCCTCGAGCTTGCTCATCATCAACAGTTGTCGATCA
TCACAAGGAAGTCAAGAACATTCCAACCATGTGCGATCCTCAAGAGGAAGTCACCCCATTCACACGGCTGTG
AATCATCGCGAGGAAGTCAGCTACATTCCAAAACCAACCGTGACGAACCATCATTCTTCTGCTACTAAGATCCA
AGCAACCTACAGAGGTTATGTGGCGAGGAAAAGCTTCAAAGCATTGAAGGGTCAGGTGCGGCTTCTAGGTGT
TATACGAGGGAATAACGTGAGACGCCAGACATTGAATGCTAAGAAACAGATGCAACTTTTGTTTCGAGTGCA
ATCAGCTATACAATCACGACGAATTGAAATGCTGGAAAACAGAGGCAACTCCAGGATCATCCCAATGATAAA
GAAGCTCACAGTACCTTTGATGCATCCGAGGGAGGTAACCATGAAGACTGGGATGAAAGCTCAATAACAAAG
GAGGAAAAAGATGCCCCGATTGCAGAGGAAGGTAGAAGCAGCCATTAAACGAGAACGTGCAAGGGCATATGC
ATACTCCCAATCCCACAGAGAACCCTCCAAGATTGGGACAAGATTCTCAAATGGATACTTGCGCCATGGGA
GTTCCAAGGTGGTTGAAATGGTTAGAAGGTCAGTTACCTACTGAAGGTTCTCAAAGCATCCTCTACCAAGAC
CTTTAACTCCCAGCCGGAGCAGAAGTCAAGCCACGGTCTCCTTCAAGCAACATTAGACGACAGAATTTCTGG
CTTAGATGTTAGGGATACTCCACACCAAAGTCCACAAAATCAACAGCATTCTCAAATGCAAAGCCTGCTCGG
TCACCACTCCGATTGAGAACCCTCAAACAGCAAGGTCAACCATCTCCAACGATTGAGATCACGAGGCAGCC
GAGCATTGTCTCCTTCGACATGAGGTTAAAGGATGATGACAGCCTTGTTAGCTGCCCTCCATATATGGCACCA
CACTATATGACTCCTACAATTTCTGCCAAAGCAAAAGTTCGAGCACGTAGTAACCCAAGGGAGAGATTTCCAG
GTACGCCAAGGAGCGACGCATCTAGCAGAAGACAATCATTTCTCCAACGCAAAGTGTTGGATCGTATAGAA
ACAGAGGTTTGATGTCGTCACCGAAAGATCATGCAACATTAGATGACAACCAATCTTTCGATCGGTGCGGAA
CTTCAGCTTTGCTTCACTACCAACTGGAGTTAGAAGGAAACCATTTAACAGATTTGTGTGATTTAGTTAACCA
TCTTCTGTTCTGTGTTTCTAATGATAAAATTTGAGTGTATTTAATGTTATATGGTTTTGTGTTGCAAAAATA
CTGATTTGTAATAAGAACTCAAGGTTTGAATTGGGTTTGGGTTTGGTGGCTTTGGGTTTGGGCTTTCTAATG
TTATACTTGACTACTTCACTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCTATTCTTATGGATAATTGAATGTTATTTCTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_29 NM_001186902 | *Oryza sativa Japonica Group* Os04g0278200 (Os04g0278200)
mRNA, partial cds

AAGATATAAGAGTTGGTTCTGCCCTTCACAACCTTGGCCAGTTTTATCTAGTTCAGAGGAAGCTAAAAGAATCC
TGCAACTGCTATGAGCGGGCACTTAAGATCAAAGGTCGCGTTCCTGGATTTGGCCATGTAGATTATGCAGATA
CAATGTACCATCTTGGAACAGTGCTATACCTTCTTGAGAGAGGAAAAAGATTCTGAGGCCCTGATACAGGATTC
TATTAGGATACTGGAGGAAGGTGGTTTAGGTGAGTCAATTCTCTGCATCAGAAGGTTGCGATATCTTGCTAAG
ATGCACATGAAGTCGAATAATCTTTTGGAGGCTGAGAATGTACAAAGAAAAATTTTGCACATTATGGAATTAT
CAAAGGGATGGAATTCTCTGGAACTATAAATTCTGCTGACGGCTTGGCCTCAACACTATATGCCAATGGTTG
CTTGAAGGAAGCACAAGAGCTTCTTGAGAGGTGTCTTGATGCACGGAAAAAGTTTACTTCTGAGGACCACATC
CAGGATATCACGAGGAATATTATATACAATAAGCAAGCGCGGTGAGAAGAAAGAAATTCATAAAGATGGAG
GATCTGGAAAGGACGGACGTACATCACTTATCATACTGGTTTGGTTTCCTTTCTCTACAATGATGAAATGAAGT
TTCTTCAAATATCATGTTTTCCATTTTTCCGAAGATATTATAATTTGTCCTATATCATCATTCTAAAGGCTAGG
TTTCCACATGTTAACTTTTTGTCTCAAATATATCCGTAAGTGAATGCTCTTCTAATTGTATTACTCCGTTGTC
ATTCACTCCATTCATGAATTTTTAAGCTTTTTGTTGTTATTACTAATTAGGCCTTATCTTACTTGATTGAAGGCAC
TTTTGTGAGTTTCTTTTTGTTTGTATTATATTCTTTCATTCTTTCTTATTAAAAGTTGAATTATTCATTATGTAA
AAAAAAATCTTTTACCAAGAATATTATATTAAGACGTGGAAAAGTATACCATGTATGTTAAATATGTGTTGAT
CTTCTTTTTTAATCGATAGTGCATCGCTGTGTTTGTGATTGCCATGTTTTGATATGATTTGTATCTAGGTCGTTG
CCCTGTGATTATGTCCCTTAGTGATTAAGACTCATAAAATTTAAATGATTTTAGTTGATCGTTTGGGTAGAAAT
CTACTCGTGCTATTGGCTCCATCTGTATTGTGTTTGCAGTTACAATCACTTGATTCTCTCGGGAATTTGGAGATT
ACGGTGCAAGAGATGCAAGTATCAAAGAAGGATCCTTTGCTCATTGAGGCTGAGAATTTACTAACTCAATGTT
TTTCTACTTATCAAAGTTCAAAGGTTCACTTTGACACTCTTGAAGTCAAGGCTGAGTACTGCACATGTTTG
AAGCGTCTCTCAAGCCTGATTAGCTCTGGCAGAACAAGTAAGCAAACAGGAAGGGTCAGTTTGAAGATCTG
AAGGGTGAAATCAGTCGCCTTGAGGTGCAATTGTCTCCATACAGAAAACAAAAAAGCTAACATCTTCAGGTCT
GGAATCATTATTATGGTTTCCCTTATTTAGAGCAGCAACATGGAGAAGTTTCTTTACTAACTTACCCAGTTGTCT
ATTTCTTTATTATTTATGTTGCTACATTTTTTTTTACCTTTCCTTATTCTACATATTGGCCTAGGCCTTCACTGAT
GTTGTAGTTGTAGTTCCAACAAGCGCTGCTACGACCTTATGTGAACAGGATCTATATACAATATACATTCATCC
ATCAACAAAAGTACATCCACTGCAAAGATAATTTTTCTTATTTACAATTAGTAGTTTTACCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_30 NM_111615 | *Arabidopsis thaliana* PUB9 (PLANT U-BOX 9); ubiquitin-protein ligase
(PUB9) mRNA, complete cds

CTTCTCCTTTCTCTCTCCCTCTCTCTCTGCTTTAATGGCGGATTGAGCTTCTTCACTATTACACGTATAG
AAGGGCAAGAACGAGAAGCACAAGAAGAACCCAAGAAGCTTAAGCCTTTTCAAATCAAACATGCCAACTTCC
ATTTTCAATCATCTTCTCCCTTCTAGCCGACCCCCCACTCTTTTTCTCTCTTCTTCTCCTCCACTATTCCAACAC
TTCTTCCATGGCCAAAACAGGTGTCTTTGATTCTGATCCTACTGTTATCGGCAAAGCCACTGAGTTGAAGAAAG
AGTTACAAACACTCATTCTTGCTATCATTGATGACGACAATTACTCCACCGACACCATCGATAACGCTAAAGAC
ATCCTTTCTGCTCTCAAGGAACTGAACTCAGGAAGAGATCCCGTTCTTCTTCTAATCTTTTCCACAATCTCATTT
CTCCCCAAGAATTCGTTGTCTCTTTCTAGAGAACTCATGAGAGATCCTGTCTTCTCTCCACTGGCGAGACAT
ATGACAGACCCTTCATTCAGAAATGGTTAAATTCAGGGAACAGGACTTGCCCTAGAAGTCAACAAGTTCTTTC
GCACACCGATCTCACTCCCAATCACTTGATTGCTGAAATGATCTCTCAGTGGTGTGCAACTCGGGGAATTGAGT
TGCAAGATCGTGTCCGTGTTTATTATCTTGACGACGATGTCATAACAGAGGCTGATCGAGACCGTTTTCTCATG
TACTTGAGAAAATGTCTATGACAATATCTGAACAGAAAGAAAGCTGCAAAGGAGCTACGAATGTTGACGAAG
CGAATGCCTTCATTTGAGCACTTTTTGGTGAGTCCCTTGATGCCATATCTTTGTTGCTTAGTCCACTTAGTGGA
GATAAGTCACAAAGTAATAGTAATATTCACACGGATCTGCAAGAAGATGTGATCACAACCCTCTTGAATTTGT

CGATCCATGACAACAACAAGAAGCTTGTTGCTGAAACACCCTATGCAATACCTCTTCTAATGGAAGCGTTAAG
ATCAGGAACCATGGAAACAAGGAGCAATGCAGCTGCAGCCCTATTTACTCTATCTGCTCTCGACCCAAACAAA
GCAATCATTGGGAAAGCTGGTGCCTTGAAACCACTTATCGAGCTTTTGGACTTGGGGCATCCATTATCAATCA
AAGACGCTGCTTCAGCAATATTCAATCTTTGTATACTTCATGAAAACAAAGCAAGAGCCGTGCGTGATGGTGC
AGTTCGAGTGCTTCTGAAAAAGATCATGAGCCAGATGCATGTTGATGAGTTGTTGGCTATTCTTGCAATGCTA
TCATGCCATCAAAGAGCTATTGAAGAAATTGGAGAACTAGGAGCTGTCCCGTTCTTACTCAGAATTATCAGGG
AAAGTTCTTGTTACGTAATAAGGAAAATTGCATTGTGATCATCCATTCTGTCTGCTTATACGATCGAACCAAA
TGGAAGGAAATGAGGGAAGAAGAGAAATGCTATCGAACCATCTCTGAACCTGCTCAGAATGGGACTTCAAGG
GCAAAGAGAAAAGCCAGTGGCGTACTTGAAAGAATAAACAGGGTAGTTAATATGACCCATACCGCCTAATGA
AATTCCTCGGCATTAATAAATTGTAGATTCTGCATCTAAATCCAGCACTCTCCGTCTTTGCTAAGACTCGGTCTG
CTGTTTGGATAATCTTCAATCATCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATATTCTTATCCTGTGGAGTCTAATGT
TAGATTTCACTGCCAGGTTTCATCAGTTTAGTCACTGTGAATAAATGTGAAGTGAGTTCTATTGATAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_31 DQ997697|Populus trichocarpa CBL-interacting protein kinase 7 (CIPK7) mRNA,
complete cds

AACCCAAACAACAATCGGAGAGAGACAGAGACAAACAAGAAAGAAACAATCAGAAAATCATCCCCAATTCGA
AAAATTTAGGGTTTCAGAACTCTGCAGGGAATGCGGAAAGATGAAATTTGCTTCGTTGATTCAGTTTGAGTTG
ATCGGAAGATCCAAAACCTTCATCATCGGCGGCAGAAATTGCCACCGGAAACACGTGGAAGACGGGTGATCT
ATCTCCTCTCTTTCTCCTCCCCATTTACCTTCTTTAACTTCATTTCAATTCAACTCACTCTGTATACAAAATC
ACCTAATCTCGATTCAATCGAGTTCAATCCGATGGCGGATAAAGGCAGAGACGGCGGTTACTCAAGTTTACT
CGATGGGAAGTACGAATTAGGCCGTCTTCTAGGGCATGGTACCTTCGCTAAGGTTTATCATGCTCGGAATCTG
AGGACGGGGAAGAGTGTGCGCATGAAAGTGGTTGGGAAGGAGAAGATAATCAAAGTCGGCATGACGGAGC
AGATCAAGAGAGAAATCTCTGTGATGAAAATGGTGAAGCATCCGAATATTGTGGAGCTTCATGAGGTAATGG
CGAGTAAATCGAAGATCTATTTGCTATGGAGTTTGTTAGAGGCGGCGAACTGTTCTCCAAAATTGCGAAAGG
TCGGCTACGAGAGGATGTAGCTAGGGTTTACTTTCAACAATTAATCTCTGCAATCGATTCTGTGCATAGCCGTG
GAGTTTACCACCGTGATCTGAAACCGGAAAATCTCCTTCTCGATGAAGACGGTAACCTTAAGGTAACCGATTT
CGGCCTCACCGCTTTCTCAGAACAATTGAAGCAAGACGGATTGTTGCATACAACGTGCGGAACCTCCGGCGTAC
GTCGCACCAGAGGTCATCGGAAAGCAAGGATACGACGGCGCTAAGGCCGACCTGTGGTCATGTGGAGTCATC
CTTTACGTTCTTCTCGCCGGATACCTTCATTCCAAGACGACAACATGGTGGCCATGTACAGGAAGATTTACAG
AGGCGACTTCAAATGTCCGCCGTGGTTCTCCCTGAAGCCCGTCGGCTCATCACGAAGCTGCTAGATCCAAAT
CCCGTGACCAGAGCCGGTATCACGAAGATTACATCCTCGTCTTGGTTCAAGAGATCGGTACCGAAAAGTCTGA
TTAGGAAGGATGAACAAGAACAACAGAGGAGAATTTACAAAATCAAAGCCACCGGCGGAAACATTAAAC
GCGTTCCACATAATATCTCTATCGGAAGGGTTTGATCTGTGCCACTGTTTGAAGAGAAGAAAAGGGGAAGAG
AAAGAGGAGATGAGATTCGCAACATCGTCGACGGCGAGCAGTGTGATATCGAAGCTCGAGGAAGTGGCGAA
GGCGGTGAAGTTCGATGTGAAGAAGAGCGAAACACGGGTTCGATTGCAGGGGCAGGAGATGGGGAGAAAA
GGGAAACTGACGATTGCGGCGGATATCTTTGCGATGACGCCGTGTTTGTGGTGGTGGAGGTGAAGAAGGA
TAACGGAGATACATTGGAGTATAATCAGTTCTGCAGGAAGGAGCTCCGGCCGGCATTGAAGGACATTGTTTG
GACTTCTCCGACGGGGAATTGCACACCAGCTTGAAGAAGAAGATGGATCAGATTATGTTGAGATTGGAAGTA
GGAGTAAGATTTGAGTAGTTTTTGTATGTTATGTCAAATTGATAAATTGAAATGAGGATAATGATGATGTC
ATGTAGTTTGTTAATTTTTAGTTTCATGATTTGCGATAAATCATAAATGGATGGGCCCTTAGCCAATTTGTTCA
ATTTGTGTTGTGGGCATCTGTGTTGTTAATTTCTTTTAAATTGAGATATAA

>trans_s_32 NM_120596|Arabidopsis thaliana transcription elongation factor-related
(AT5G05140) mRNA, complete cds

AGTTGTTCTCTTGCCGATTGACTCGTTGTTTGGGCTGTGACCGAGTGGAGCTGGCGGTGGCCGGAGACATCG
ACGGCGATGACGGTGAAACGGGTTTCAAGAGCGATTTGCGCCGAGATGGGTGTGAGTTTGAGGCTGGTGGG
AGCAAAGAGAGCAAGGTTTATAGTAGTAGAGATGATATAGGGGAGATGAATTGCAACCGGGTTAGTAATTTT
AGATTTGGTGAAGCTGAAGCATTGACTGATGAAATTGAGCAAGAATCTCAGATTGTAGGAGAGGTTTTGAGG
ATCAAAGAGATTCTTAATAATTTTGAAGATGAGTCTGATTGCGTGTTTTGAATCACTTAGAAGACTTGAATTGA
TGGCTCTATCAGTTGATACTTTGCAGGCAACTGAGATTGGCAAAGCTGTTAATTGTCTTCGAAAGCATGGATC
AAAGCGCATCCGCCATCTTGCTCGAGTTCTTATCATGGAGTGGAAAGACATGGTGGACGTGTGGGTACAAGC
TACAGCTGCTGTTCAAGGTGCAGAGGTACACCGGATTCCAAAAGCAAGTCTGCTGCGGTAAAAGAAGAAGA
TGATTATGAAGAAGAAGGCCTTCCCTCGCCTCCTTTAGATGAAGCTGCATTTTTTACCACTCAGCCCACATCTAT
GGAGCTCTACAATTCTTTGATGGCATGGACGATGATGGAAATCCTCGAAATAGTGGGGACTTCGTCAAGAAC
CGCAATAATGTGAGAAAACTTCAAATGGCAATCAAAACCTACAAGGTGTAACCAACAAACCACTCGAGAG
GTTAATGTGCTTTCTAAGGAAAATAAGACTCAAATGAAGGAACAAGTTGTGAAGCCAAATAATAAGCCATCCT
CAAACACAAATTCTGGGCTTTTGAGGCAACAGAAGCTAAGCACAGAACAGAAGGACAACCATGAGAAGTTCC
AGCGCAAATTGGAAAAACCTACAATCCCAAAGAGGAATCAGCAAGATAACTTCAAGTGCTCGGATGAGGTTG
CAGTTCAAGTGAAGCTAGAAGCTACAAAAAGGAACTCCAAGAGAGTTACCAACAAGCTGAAAACGCCAAGA
AGCAGCGCACATAACAGGTTATGGAATTACACGATCTTCCCAAGCAAGGAATTGGCCATAGAAATCCACACCT
AAAATCTGGAGGCTTCAACCGGCATTGGACAAATGGGCTGGCGTTAGGATCGTCAATGTAATAAGGTAGAAG
ACTAATGCTTCCAGCATTACTGTTTGAGTGACTTCCATCTACAATCAGGTGGAAGATCATGATGCTAAAGCTCC
CTGGCAAACAGAGTCTTGACCGACTTCGCTTGAAGGTAAACAACAAAAAACTTGGTTTCAGTCTGTCGTGCCA
GAGAAGGCGATTCCGATCTCGAGGAGAGTTGGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCATTTCTACTTTAAGTA
CATTTTCAAGTATAGAGAATTTCTAATTGGAATTTGGGAGGCCAAAATTATATAGCATTATCAGTGTTGTTCTG
GGAGTTTTGACTTGATTATCTTTACATAATGACTGTATAGAACCCCTCATTTGATATCCTCTTCACTTACTTAC
TGACTACTTCTCTTATAGACATTTTCTCCTTCTTTCTTACATGGAAGACTTATTCCTTCCATACTGTGAAATTAA
TGATAATGTAAGATAAATTGCACAAAACCAAGGTGCATTCCCATAAACAGTATAAAGTCATCTCTGTATACTT
CTTCTTCTCATATGAATGCGAATAATTGTTCTCACAATTTTTAGCTTTTGTTCTCAAGGAATGATGGCCAATGA
TTCATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_33 EU786799|Glycine max RING finger protein (RFP1) mRNA, complete cds

TTACTCTTACGGGGTTCTCCCATTTCTCTCCAATTTAGACATAAGAGAGAAAAAGGGTCCAACCCCTCTAAAAAC
CCTCCTTCTCTTCTTCCAAACACCTCTGTTTTAGGGTTTCTTCTCTTGTCCACTCAACTCCATCCTTCTCTTTCC
AAATCCTTTCTTTTGGGTGTGAAACAAGGGCTTCAAATTTTAAATTTACATTAGCGGTGAGGCAGTTTGGTGA
GTTTTCAATATTTTATTTATATATTCTTTTCTCCTTCTCATTATTTTCTAGCATTCCCTTGGCTTTTACTTGGAGAT
ATTGTCATTTTATTATCGATTAAAGAGGTGCGTTCTGTTGTTTGTGACACTTCTGGTTGTTGCTGCTTATACTTTC
TGCAATCTGGGGTCAAGAGTTTTGGGGGTTTGTGTTTGTGATTGTTGGAGTTACACTGATTTTGGAAATTT
TGAAGGGTATGGTTTAAAGTTTTAGTTATTTTGATCTGTGGAATGTCAAAGTGGTTTTTGGAGAAATCCCATTT
GAAAAATGGCTCGGATTCGACATCAAATCTTCAAATGATGGGTTTTTTAGCTACCCCTCTCCTTTAGCGGCT
TCTTCTTCAACCCCTTTGATGGAATTTACAATAAGGAACCAACCCACCTGCAGTCCATCTCCATCCTCGTCT
GGTACGAGGATAAGTCCAGCAGTTCTTTTTATCATAGTTATTTGGCTGTTTTGTTTTTCACTTCTGGTCTGCTTC
ATCTTCTTGTTAGATTCTTATAAAACACCCATCTTCTTCAGTCTCTTCTCAATCTAATAGAAACCCAGAACTTTC
ACCTTCTGATGCACTTCAGAGACAGCTGCAGCAGCTCTTTCATCTTCATGATTCTGGTTTAGATCAAGCTTTTAT
AGATGCACTTCTGTGTTTCAGTATAAAGAAATTGTGGGTCTCAAGGAGCCATTTGATTGTGCTGTTTGTGTTGT
GTGAGTTTTCTGAGAAGGACCAACTCAGATTACTTCTATGTGTAGCCATGCCTTCCATGTCAATTGTATAGAC
ACTTGGCTCTTGTGAATTCGACGTGTCCTCTTGTGCTGGAACCTCTTTAATCCTGGTTTTTTCGATTGAAAAT
CCAATGTACGATTTTGACGATCTGGGTGAAGAAGATGAATGCGCTGGTAATGCAGAACACAGGTTACCTAATT
GTCAGAAAACAATGGAAATTCAAGAGGTGGTGAATGAGAANGGGGGTTTTCCAGTGAGACTAGGGAAATT

CAGAAGGATGGATGCAGCGGAGGTGGTAGAGACTGAAGTTGGTGAGACCAGTAGTAGTAATTTGGATGCTA
GGAGATGTAATTCGATGGGATCGTATCAATATGTTGTTATAGACGCTGACCTCAGAATTGCGTTGTCTAAAGC
TCGAGGAGAGGGTGATAATAAACAGCCCTCAAAAGAGGCGGAATCAAACAGCATCTCTCCAGTCCAAGCAGA
TTTGGATGGAAAGAAGCTTAGTAGTGTAGCTAAAGGAGAGATTTACTCTGTTTCGAAGATCTGGCTTTGGTCT
AAAAAGGGGAAGTTCTCAGGTTCTACTGAACCGCAGATTGGTATGCCTTCTCTCTAAATACAGACTTGCCGCC
ATGGTTGAGGCAAACACAAGGGCCATGATAAAATGGCCTCAAACTGTTTTTTTTTCTTTTTTTTAGTTGA
AAATGATCCTTATCAATGTTTGTGTATCCATTTAGATTTTGTCTACGAAATTACCTGGTGCTAACTTGTGAG
TTATTGACTATTACAAAGAGTTAGTATCCATAATCCAATAGTCCTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_34 DQ473580|Ricinus communis plastid Tic40 mRNA, complete cds; nuclear gene for
plastid product

ACTCTCTCAACTAAACCCAAACCTTCTCTTCCAAGGGCTCTTCCAAGCCTATCTTCTTCTTCTTCTCCTTCAGTCCTCT
GTTTATCATCCCACCAAATTGTAAACCAAAATCAATGGATAGACTCAATTTAGCCCTAACATCTCCTCCCAAGTT
TCTTTTCTCACTTATTCTTCTGCTTCTTCTATCTCCACTCCCTCCAGAACCAATCAATTATGTGCAACCAGGCGT
TTATCAAGCTCCAGGATTAAGTCTCCTCCCAGAATTCTCGCTTCTGCTCTTAATCGTCGACCCAACACCGTATC
CTCGTGGCTGAACGTTTTGCAACGGTTTCTTCTTCTACTACCAGCAATGACTCGTCTTCTGTTGGTGTTCATCA
GTATCTATTCTCCCCCTCCTCATATGTTGGGTGCGCTCTCTTTGGGTTGGTGTGGTGTGGGCTTTTCAGCA
TTATTTACATGGGTGGCTTCTTACTTAAAGAAATATGCAATGCAACAAGCTTTCAAGACGATGATGTCTCAAAAT
GAATTCTCAAAACAGTCCGATGAGTAATCCTAACTTTCTGCTGGATCACCTTTTCCAATACCTCCGACATTTGC
AACTGGCAGCAGAGTTACTCCATCTGTTTCTGAACCTGCTGCGTCAATTGATGTAAGTGAACAAAAAGTTGAAG
AAGAACCAGTTACTAATGTCAAACTGGGACAGAGAACATGGAAGCAAAGAAGTTTGCTTTGTAGACGTTTC
TCCTGAAGAACTGACCAAAAGAGTCCATTCAAGGAAGATGCCACAGATGCAGATGTTTCAAAGAATGCTCA
GCCTACTGAGGAACTCCACAGAATGGAGCTGCTTCTAAGCAGGCATATATTGGTTCAGATGGATCACAATTC
AGCCGAAAACCAGGCTCAGTGTTTTAGTGGAAGCTGTGGAGAAAATGATGGAAGATCCAACGGTGCAGAA
GATGATATATCCCCATTTGCCCAGGAGATGAGAAATCCAGAAACATTCAAGTGGATGATGCAAAATCCATTA
TATCGTCAACAATTAGAAGAAATGCTTAACAATATGAGTGGAAGCCACAATGGGACGGTCGCCTCATGGATT
CTTTGAAGAACTTTGATCTTAGTAGCCCTGAAGTCAAGCAGCAATTTGATCAAATTGGGCTTACACCTGAAGA
AGTTATTTCCAAAATTATGGCCAATCCCGAAATTGCAATGGCATTTCAAAATCCAAGAGTTCAAGCAGCCATCA
TGGATTGTTCAAAAATCCACTGAGTATCACAAAGTATCAAAACGACAAAGAGGTCATGGACGTTTTCAATAA
GATATCTGAACTATTCCCCGGAGTTTCTGGAGCACCATGATAGTTGTAGCTGTTTTAGTACTGAATAGTATAAT
ATGACAAAATGTGAATTTGTGGAAGCTTGAGCATGGTTCCTCTCCAATTGCAAAATAAGTTGGGGGAAGCCA
TATCGGTCTTCTAGTTCTCGAAACGAAGTTAGCTGAGTAAGGTCTCACCTGCTTCAATTACATGAAATATATTG
GAAATTTTTGGGTGAGCTAATTCTTTTTCCCTTTCTTAACTAAAGTTTCCTGTGTATTACTTGCTTTCTCAGGA
GATCATGTATTTATTAGTGTTTTGCATTTAATCAGTTTCATAGGAACCTCCTTGTTACAGTGGTCAGATTGTAA
GTAAGAATCTTTTTATGTTCTTGATATATCAAGGCAGTCGATGTAATTTATATAAGTAATTTTGGCATATTCCT
ATTTGCTTTAATTGAATGACATTGTTGGAGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_35 DQ267933|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D-alpha (PLDa1) mRNA,
complete cds

TGTGCCCTCGTAATCCCGCGGATGGTGGAAGCATTGTTCAAGATCTACAAATCTCTACCATGTTCACTCATCAC
CAGAAGATTGTGGTGGTGGATAGCCCAATGCCAAATGGAGATTTCGGATAGGAGGAGAATTGACATTGGATA
CTGCACATCATGACGATTTCCATCAACCAAATTTTGTGGTGCATCAATAACAAAAGGTGGACCGAGGGAACC

TTGGCACGATATCCATTCCCGACTTGAAGGGCCCATTCCTGGGATGTCTTGTTCAATTTTGAGCAAAGGTGG
AAGAAACAAGGTGGGAAGGATGTACTTCTGCAACTTCGTGAGCTTGATGAAATAATTATTCCTCCATCTCCTGT
TATGTACCCAGACGACCATGACACCTGGAATGTTCAAGTTGTTTAGATCAATAGATGGTGGGGCAGCTTTTGGC
TTTCCTGAGACCCCTGAAGATGCTGCTAGAGCTGGACTTGTCAGTGGGAAAGATAACATTATTGATAGAAGCA
TTCAAGACGCTTACATTAATGCTATCCGACGGGCTAAGAAGTTTATTTACATTGAAAACCAATATTTCTTGGA
AGTTGTTTTGGATGGTCTCCTGATAATATCAAGCCTGAGGATATTGGTGCCTTGCACTGTATCCCAAGAGAGCT
TTCCCTCAAGATCGTCAGTAAGATTAAGCAGGGGAAAGGTTCACTGTCTATGTAGTTGTTCCAATGTGGCCA
GAAGGTCTGCCGAAAGTGGATCGGTTCAAGCAATATTAGATTGGCAGAGGAGGACATTAGAAATGATGTAT
AAAGATGTAATCGAGGCTCTTAGAGAACAAGGTAGCGAGGAAGACCCTCGCACTACTTGACATTCTTCTGTC
TTGGCAACCGGGAAGTCAAGAGGTCTGGAGAATATGAACCTTCAGAAGCACCAGAGGAGGATTCTGATTATT
TGAGAGCCCAGCAGGCCAGGCGTTTCATGATTTACGTCCACACCAAAATGATGATTGTTGATGATGAGTACAT
AATTGTTGGATCGGCAAACATCAACCAAGATCCATGGATGGTGCAAGGGACTCCGAGATAGCAATGGGCGC
TTATCAGCCCTATCATCTCTCAGCTCGTGAACCTGCACGTGGTCAAGTCCACGGATTCCGTATGGCTCTATGGT
ATGAACATCTCGGTATGCTTGATGAAACTTTCCTTCGTCCAGAAAGTGAAGAATGTATTGCAAAGGTAAACAG
AATTGCCGATAAGTATTGGGATATGTATTCAAGTGAATCACTTGAAAGAGACTTGCCCGGTACCTCCTCCGCT
ATCCGGTTGGCATATCCAGCGAAGGAGAAGTCACCGAACTCCAGGCTTTGAGTTCTTCCCCGACACCAAAGC
TCGTATACTCGGTACCAAATCCGACTACCTCCCTCCCATCCTCACTACCTAAGTCATTTTCTCCGCTAGCTGCTT
CCCCCATCTTATTCCAAAGGTTATTATTCAAACCTTACTTGCTAATGTCACTTTGGCTTTGTTTCTTTGCTTGAGGC
TTACCTTCAAACACTATCCCCTAATGTAATTTGGGTTTTGGCTTCCTAGTTTTGGGGTTTACTAAGCTTATA
TAATGCAACTTTGGCTGGGTTTTCTTGATCTTCTGCCATTTGTTGCTTCTAAATTGACCGTCATTTCCAAATTA
GCTCATCTGTCTTGTAATGTTTTATATTTATTTTCTTTATCATATTTGAATATTCTCACTTAATTATTAATA
TGAGTTAAATTACAGTCTTGTTGCGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_36 X98474|Solanum tuberosum mRNA for brittle1 protein

CATTAATAATTTCTTCAAACCTTCAGAAGTTCGGCCGCACTGTTTTGGGTTGGTGAAAGAGAGAGATTGCG
TCTACCTCTCTCTCTACCTAATAGGTTTTCCCTTCCCATTTCTTCAATCTTCTTTTACAAATCCCTTCCTG
AAAAACCCCTTTCTCCACCCACTTTTGCTTTACTTCATGCGGCTTTCTATTCTATCTCTTCTTCTCCTCGGTTTT
TCCGCTCTTCAAATGGGTGTTCTTTGTTAATTCCTTCTTCTTCCAATACCCTTTTACCCTTTTCCAGGATTCA
ATACGGTTGCCCTTAATTTCTTCTAACCCGATTGTTTCTCGGTTTTGATTTATGGGTAGGAAGGAATTCGAG
TTTTTGATGATTCCAATCATGGGTTCTTCACGTTTTCTGGTTTGGGATCTCAATGTCGTCTCCATCAAGATGAAT
CTTTTCTACCTGGTGGCTTATTGCAAGCGTGGGGCAGATGGGTGTTGGCTTTGGAATTTCTCCAGATTCTTCC
AATCCTCGCAACAATGGCGGCAATAAACTTGCTTACACCGATTTGTACATGAAGTACTTATCTTGGGTGGAAG
GTTTTCGGATTATGGGGCTAACGAAGAGGAAGGGGTTGTGAAGAAGAAGAAAGGTGGGCTTAGATTGAAA
GTTAAAGTTGCTAATCCTTCACTGAGGAGGCTGATGAGTGGTGCTGTTGCCGGGGCTGTGTCAAGGACTTGC
GTGGCGCCATTGGAGACAATAAGGACACATCTAATGGTGGGGAGTAGTGGAATACTACCACAGAAGTGTTT
CATAATATCATGCAAACTGATGGGTGGAAGGGGCTGTTAGGGGAAATTTGTAAACATCATTCGTGTTGCAC
CTAGCAAGGCCATTGAGCTCTTGTGTATGACACAGTCAACAAGAATTTGTACCTAAACCTGGTGAGCCTTCA
AAACTACCTATTTCTGCCTCATTTGTTGCTGGGGCTGTGCAGGAGTTAGCTCAACATTATGCACATATCTCTT
GAGCTACTCAAGACCCGGTTGACTATTCAGAGAGATGCATAACGGTCTATTTGATGCATTCTAAAAGATAC
TAAAAAAGAGGGGCCTGCCGAAGCTTACAGAGGCCTTGCCCCTAGTCTCATTGGTGTAATTCGTATTCTGC
GACTAATTATTTGGCATATGACACATTACGGAAAGCCTATCGAAAAATTTGTAAGAAAGAAAGGATTGGAAC
ATTGAAACCCTTTTGATTGGTTCGGCAGCTGGTGCTTCTCAAGCAGCGTTACGTTCCCACTCGAAGTAGCACG
TAAGCAATGCAGGTGGGAGCTTTGAGCGGAAGACAAGTTTACAAGAATGTCATCCATGCATTGTAAGCAT
ATTTGAGAAAGAAGGCATTACAGGGCTTTTCAAGAGGGCTTGGTCCCAGCTGTATGAAGTTGGTCTCTGCTGCC

CGGGATTTCTTTTCATGTGCTACGAGGCATGCAAGAGGATCCTCGTCGAAGACGACGGTGAAGACTGAGGAGT
AGACAACTTCTTTATATGGCATGATAGAGCAAGCAATTCGTGCTCTGAATTAGAGAGAGGAAACACAGTTTTG
TTTTCTGTTTTTTTTTCTCCCTTTAGCTTTTGTTTTGACCCCACTCCCCAACTCTTTAACTAGATTTCCGGTGGT
TTGCTAAGATTTCGGTTCAAGGATCCCCTTAGAAAGGCTAGAGCTGGATTTCTTTTTAACTATTTATTTGGAT
AATTTCTTATATGATACTGTTCTCATTGTTAGTCAATGCATAAGTACTTGTCTAGTGGAACATGTCCAGTGTCG
TT

>trans_s_37 D83656|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for thylakoid-bound ascorbate
peroxidase, complete cds

AATTCCAACCAAATCCATGGCTGCTACTGTTTTTGAACCGCTGTCGCCGTCGCCGCCGCTCCTCCTCCTCCGC
CTCTTCAACATCTCGTTTCCTCCTCCTCCGCCACCAGAGCTACACTATCTTTCTCTTCTCCTTCTCCTTCTCCT
CCTCCTCGCTCCTCGTCTTCTCCTCTTTCAACTTCCTCAGATCCTCCTCCTCATTCTCACCTTTTTCTCAACCA
GGGAAGGCCGAATTCTTGTGGATCAAATAGAAGATTCAGTGCCTCATCTACTCCGAAATGCCTGGCATCGGAC
CCTGAGCAGTTGAAGAGCGCTAGAGAGGATATCAAGCAGCTTCTGAAGACCACATTCTGTCATCCTATTTTGG
TACGCCTAGGTTGGCATGATGCTGGAACCTACAATAAAAAATATTGAGGAATGGCCACAGAGAGGTGGAGCTA
ATGGAAGTTTAAGATTGATGTTGAGCTGGGGCATGGTGCTAATGCTGGTCTTATTAATGCCTTGAAACTCATT
GAGCCTATCAAAAAGAAGTATTCTAACATCACATATGCAGACCTTTTTCAGTTGGCCAGTGCTACAGCTATCGA
GGAGGCTGGGGGGCCCAAATCCCCATGAAATATGGACGAGTGGATGTTGTTGGGCCGAGCAATGCCCTG
AAGAGGGGAGGCTTCCTGATGCTGGTCCCTCCATCACCTGCTTACATCTACGAGATGTTTTTACCGCATGGG
GTTGAATGACAAGGAAATTGTTGCATTATCTGGGGCACACACATTAGGCAGAGCTAGGCCAGAACGCAGTGG
TTGGGGGCAAGCCAGAGACTAAATATACGAAAGATGGACCAGGTGCACCTGGTGGACAATCCTGGACTGTAC
AATGGTTGAAGTTTGACAACCTCGTATTTTAAGGATATCAAAGAAAAGATAGATGAAGAATTACTGGTGTGCC
AACTGATGCTGTTCTCTTTGAAGATCCATCATTCAAGGTTTATGCTGAAAAATATCTTCAAGATCAAGAATCATT
CTTCAAAGACTATGCTGAAGCCCATGCCAACTCAGCAACCTTGGTGCTAAATTTGATCCTCCAGAGGGTATTG
CGCTTGATGCATCTCCGAAACCTGCAGGAGAGAAGTTTGATGCCGCCAAATACTCGTATGGAAAGGATTA
AAACAAGTCTCATGTTTTGTTGTGCCACGTGTCTTTAATAATACGAGTTGAAGCTTTATTCAAGTCTTGGCAT
GTTGTGATGTCACGTCTAAAAAAAACCTGGAAGTCTTAAATGAAGGAGAAATGGAATAAGAAATTCAAT
AGTATTGCCTATTTGAATTGCAGAGAGAGTTATCAGACTCAATGAAGCAGAAGATTCGGGCAGAATATGAAG
CTTTTGGTGGAAAGTCCAGATAAGGCTTTACCAACAACTACTTCCTTAATATCATTCTTGTGATTGCTGTTTTGG
CCATTTTGACATCCTTGCTTGGAATAAATTTGAGTTCTTGAATCTACTTTTCTGAAATGCTTTGTTTCTCAACAA
AAACATCTTATAATTTCTCGATTTATTTCTTCTAGTTCTTTTAGTTCAACGATTTATATGGACGGTGAATTCAAAC
CTTTGACTTCTTAATCAAAGGTACATATTTCAATTTAGTTATGTTTATATTTGTTGAAATGTTGAAATCTCACAT
TGAAAAAACTAAGGGAACTCGTATTCTTTTAAATAAATAAGCTATTTCTCCTTATCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_38 D49535|Citrullus vulgaris mRNA for serine acetyltransferase., complete cds

GCCGAACGTGAAGAAGGAAAAACCCTGTCTCCCTAGCTCTCACGATTTCTGCTCGTCTATCCACTGCCGACGG
CCGTTCTCGACGACGGTCGTTCAACCAACGACGGCCGTTCAACCGAAAAACAGAGCGAAAAATCCCTCCCTCT
CTCGACGGCCGTTTCAGCCGACGACGACGAGTTTCTCCATTTAGTCACTGTAATTCCATTTCTCCAACCATGCC
AATCGGTGAGCTTCGATTTTCATCTCAGTCTCCGATAGCAGTGGTGGATTCTACTATGAATAATGATGAGACAT
GGCTCTGGGGGCAGATCAAAGCGGAAGCACGGCAAGATGCCGAGTCAGAGCCAGCACTGGCTAGCTATCTTT
ACTCGACGATTTTGTGCAATTCATCACTTGAGAGATCACTTCGTTCCATTTGGGGAACAACTCTGCTCTTCGA
CGCTTCTTCCACTCTCCTTTACGATCTTTTCTCAACGCTTTCTCCACTGATTATGGTCTACGATCAGCTGCTGT
CGCTGATTTGCGAGCAGCTCGTGAACGGGACCCAGCCTGTGTTTCATTTCCATTGCCTCCTCAATTACAAAG

GTTTCTTAGCCTGCCAGGCTCATCGTGTGGCTCACAAGCTGTGGAATGAATCACGTAGGCCGCTAGCACTAGC
ACTTCAATCACGCATTGCTGATGTCTTCGCCGTCGACATTCATCCTGCAGCAAGAATTGGGAAAGGCATTCTGT
TCGATCATGCTACTGGTGTAGTGGTTGGTGAGACGGCAGTGATAGGCAACAATGTCTCAATTCTTCATCATGT
CACTCTTGAGGGACAGGAAAGATGTGTGGAGACAGGCATCCTAAGATTGGGGATGGAGTCTTAATCGGTG
CTGGAGCAACCATTCGCGCAATGTGAAGATTGGAGAAGGAGCTAAAATCGGGGCAGGATCTGTGGTGCTG
ATTGACGTGCCACCACGCACAACCTGCCGTGGGAAATCCCGCGAGGCTAGTGGGGGGGAAGGAAAAACCATC
GCAGCTCGAGGATATTCCTGGAGAATCCATGGATCATACTTCTTTTATATCCGAATGGTCAGATTACATTATTT
GATAGTATTTTATACAATGAGTGGTTCTACATTTTGTCTCTCCGGCATTGCAGCTGTGAATTTTACTTTCCATTT
ATACCCCTTGTCATTACAATAGCCATTAGAGCAGATACATCGACTCTCTTTTTGGCTTCCCCTGTAGTATATTCAC
ACTCTTTTGCCTGCTTATCAGAAAATAAGTTTGGCAATAAATAAAATGCAGTAACACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCC
CCCCCAAAAAATTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCCGGACCCATTCCCCCAAAAGGGGGCC
AAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTAAACCCCGGGAGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTTAAC
CCCTTTGAAACAACCCCCCTTTTCCCAAGTGGGGAAAAACAAAAAGCCCCCCCCATTCCCCCTCCAAAA
TTTGCCACCCGAAAGGGGAAAAGGGAACCCCCCTTAACCGCCAATAAACCGGGGGGGGGGGGGGGTTAA
CCCCAAGCGGGCCCCCTACCTTGCCGGCCCCCAACCCCCCTCTTTTCTTTTTTCTTTTCTTTCCCCCAG
GTTGCGCGGTTTTT

>trans_s_39 DQ359123|Gossypium barbadense ABC transporter II-like protein mRNA, complete
cds

ACGAAGTTTCTGCACATTCCCATCTCTTTCCTTCATCTTTTAAATCTTTTTCTGGGCGAGTTCTGTATCATTTCTA
CTTCATTCTCAAGCAGAACTCCTTAACTATCCTTCTTACCTTGAGTTGCAGGATAAAATCGAGTTTTTTTTTT
TTTTGCTCATAACCCCGTTTGGGTTTCTTAAATTTGTGAGGTTGATTGCATTGAACTACTAATTCAATAGGA
GGCTGATTTTGGACTGGTTGAATCGTGGGTCAGTTTACAATCTCAAAATTCATCTACCTTAAACGGGTCAAT
CCCGGTAACATGGTTTCCATATCGGGTTCCGTATTCTTCCCATTAACAGTACCCAATTGTTCTCTCGATCGGT
AAAGTTGCTGTTCTTGATGCGCATAATTCGTTTTGTTGTAAGATAAAGGACCAGAGAAGGATTGTTGCTTGTA
ATTGCATTGCGCCTCTCCGTACTTCAAGAGTGATGAGTCATCTGCCGTAAATTCGAATGACTCGTTAGATCA
GAACATTTGAGCTCAGAAAATGAGGACAAGGATGAGTCTGATGTTCTCATCGAGTGTAGAAATGTCCACAAA
TCCTTTGGAGAAAAACATATATTGAGAGGTGTGAGCTTCAAGATTAGACATGGAGAAGCTGTGGGAGTAATT
GGGCCTTCTGATACTGGGAAGTCTACAATACTGAAGATCATCGCAGGTCTTCTTCTCCAAACAAGGGAGAGG
TGTATATTCGAGGTAAAAAGCGAATTGGTTTGATCGATGATGAACAGCTATCTGGTCTTGAATTGGATTGGT
TTTTCAGAGTGAGGCGCTTTTTGATTCATTAAGTCTCCACTAAATGTTGGTTTCCTTTGTATGAAAATTCAAG
CTTGGCTGAAGATCAAATTCAGAATTGGTAAGTGAAGTACCTGCTGTTGGGCTAAAGGGAGTTGAGGAT
CGTTTACCTTCTGAATTATCAGGTGGAATGAAGAAACGAGTTGCTTTAGCTAGGTCCATAATTTTGATAACAC
AAGGAAAGAAATTGAGCCAGAGGTGCTCTTGTACGATGAACCGACTGCTGGACTTGACCAATTGCATCAACT
GTTGTTGAAGATCTTATACGTTCTGAACATATTAAGGGTGAGGATGCTAGTGGGAAGCCTGGAAAGATTGCAT
CTTATATTGTAGTCACGCACCAGCACAGTACCATTAAGAGAGCTGTTGACAGGGTATTATTTTATACCAGGGA
AGGGTTGTCTGGCAAGGAATGACCGGTGAATTTACAACGTCTACAAATCCAATCGTTCAACAGTTTGCATCGG
GAAGCTTGGATGGTCCGATTAGGTACTAGTGATTGAGTAACGATGTACTTTTAGATTAGATGTAGCAGCGTT
CCTACTTTGGAGACAACAGACTTTAGTTATGGAGAAGACAGAAAAGTTAACATGGACCAATTCTTACACATTG
CTGAGAAAGAGAAACAAGCATTAAAGCTCATTTCTGTAATTCTGTTTCTTTGTTAGAAATGTGTTCTTCTGTTGT
ATTTCCATTGTTTCTGTAGTATTAGGCAATGTAGAAGCTATGTGGGGATTATTTTATGTTTCTCGAAAGCA
AGCAGAGAATCTCAGAACTAAATCTTGCTTTTCTCCATTGATGATAGCTTTTCTCTTCTATTATTCCTCA

GCAAGAAAGGAAATTATTTTGAAACACAAAACGTGTCAAAAGTATTTATAAATATTATCTAAATTTACAGCCTA
TTACTCATTAGTGCCTATAAACGTCTACCTAATTGATGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_40 HM122570|Malus x domestica HD domain class transcription factor (HD12) mRNA,
complete cds

AAACCATAACAAACAAACAAGAAGGGTATTGTGGTGACTACAAATTTGATCAGAAGCTTTCTGCTGCTGCCAT
TAAAAGCCCACCAAGTTCTTCCTCCTACGAAGAGAAGAAGAGGGAAGGAAGAGAAAAAAAAAAGGAAGAAGA
TTCTCTTTTATTATCCTACAAACCCATAAATCAATTCCTCTCCATCTTCCATTTCATCTTTGAAAAAAAAACTCA
TCTCTTAATCGTTCTTCTTCTGAGTGATGGGGGTGAGCTGCCGTTGTTCCCACACTTCACACACCACTGAAATC
ATAATCACCAGCTTTTTTCGCCATAAGCCTTAAGATTAACCACCAAAAATCACAGACCCACTGGATAAATTTTATC
CCTTTTTCTTGATGGCTGTTTGAAAAGAAGGAATCGTTTCTTTTTCTTAGGCTTATGGCGGGCCGGAGAGTCT
ACGGCGGCGGCGACGGTGGTAGTATAAGTGGTGGTCTTCTAATCATAGTGTTTTACTTCAGAATTGTGGTGG
GTCTTTTGCTTCTGAGCCTCTTAATGCTCTGTTCTTCTTCTGGGTCTTCTTCTTCTCCTCCCTTCTCTGCTTGGTT
CAAGATCCATGATGAGTTTCGAAGATATTCGTGGAGGAAACGGATCGAATAGATCGTTCTTTGCCGTTAGA
TAGTGAAGATAATGGGGATGAAGACTTGGATGATTACTTCCATCACCTGAAAAAAGAGGCGTTTAACCGTT
GATCAAGTCCGTTCTCTGAGAAAAGTTTCGAGACCGAGAACAAGCTCGAGCCAGAAAGGAAAAGTTCAATTA
GCAAAGGACCTTGGTCTGCAGCCTCGTCAGGTTGCTATATGGTTTCAAAATCGCCGAGCTCGGTGGAAAACTA
AACAGCTGGAGAAGGACTATGAGGCTCTTCAATCCAGCTATGGAAGCCTTAAGGTTGACTATGAAAACCTACT
CAAGGAGAAGGATTCACTAAAAGCTGAGATTCTTCTCCTGACAGACAACTGCTACACAAAGAAAAAGAAAG
AGGAAACTCTGTGCTGTCTGAAGTTGACAAATTTGGTGAAGAATTACCACACAATCTGGTTGCTGATTCAAAT
TGGAGGATGAAGTTTCAAATCTTCAAAGCTGGGTTGTAAGCAAGAGGACATCAGTTCAGTCAAAAGTGATA
TATTTGATTCAGATAGCCCACTATACTGATGGGGTTCATTCTTCACTCCTAGAGCCTGGAGATTCTTCTATA
TTTTCGATCCTGATCAGTCCGACTTATCGCAAGACGAAGAAGATAACTTGGGAAGGAATCTATTGCCCCCTTAT
ATCTTCCCAAAGCTCGAAGATGTCGATTACTCTGACCCGCCACGAGTTCTTGTAAATTTGTATTCCCCATTGAA
GACAATGCCCTTTGGTCTTGTCTTAGTGAATCTTTTTCCATGTTGTGCTTTCCTTACCATCTTCATTACCTAAA
ACCATGTTTTTCTAGTAATTTAAGTCTAAATCCAAGCAATGGTAGCTCACGACCATATTCGTGCCTAGTCGA
GCTGGGTTTAGTTTCTGTGACGATTTCGATCCATCCTGTAATCTTCTTGGGTTTTGGTCGAGGGTGGCTTTTTAT
TGTTAAATAATCCTTGTTCCTTTGAATGTGATTAAATAATATATTCTCAATTATGTTGCCACCTTGAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AACAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAACCAAAACCACCACCAAAAAACCCCAAAACAAAACCCCACTATATCCGCC
CA

>trans_s_41 FJ460228|Glycine max glycogen synthase kinase (GSK-3) mRNA, complete cds

ACACCCACGAAGCTTTCTCCGATCTGACCCTTTCATTTCTCCACCAATCTGTACCTCTGTTTTCTCCTTCAT
GCCTCAAGATTTTACATTTTATTGGTGAATGGTTAGTTTTATAAGGATCATTCAGTGAAGAAAGCTCGTGACAT
TTCCAAGAAATGGCGTCTATGGGTGTTGTTTCTACTTCAAATTTGAGAGAACCAGCTGGCCATAATGTTGGTGT
TGATAGGTTACCTGAAGAGATGAATGACATGAAAATTAGAGATGACAAGGAAGTGAAGCAACCGTTGTAG
ATGGCAATGGGACAGAGACAGGCCATATAATTGTGACAACAATTGGTGGTCGAAATGGCTACTCAAAGCAGA
CAATCAGCTACATGGCAGAACGTGCTGTTGGGCATGGATCATTTGGAGTCGTGTTTCAAGCAAAGTGCTTAGA
GACTGGGGAACTGTGGCTATAAAGAAGGTTCTCCAAGACAAAAGGTACAAGAATCGTGAGCTGCAAACCTAT
GCGGCTTCTGACCATCCAAATGTTGTTGCATTAAAGCATTGTTTCTTCTCAACCACCGAAAAGGATGAACTGT
ATCTCAACCTGGTTCTTGAGTATGTCCCGAAACAGTTCATAGGGTGATAAAGCACTACAACAAGTTAAATCA
AAGGATGCCACTGATCTATGTAAACTTTACATGTACCAGATCTTTAGAGCATTGTCATATATCCACCGTTGTA
TTGGGGTCTGCCACCGGGATATTAACCTCAAATCTTTGGTGAACCCACATACTACCAGGTTAACTATGT

GATTTTGGGAGTGCAAAAGTCTTGGTAAAAGGAGAGCCAAATATTTCTACATCTGTTCAAGATACTATAGAG
CTCCTGAGCTTATTTTTGGAGCAACAGAGTATACTACTGCAATTGATATATGGTCTGCAGGTTGTGTTCTTGCT
GAGCTATTGCTTGGTCAGCCTCTTTTTCTGGAGAGAGTGGAGTTGACCAGCTTGTTGAGATCATTAAGGTTTT
GGGCACTCTACCAGGAAGAAATTAATGCATGAATCCCACTATACAGAGTATAAATTCCTCAAATTA
GCCCCACCATGGCACAAGATATTTACAAACGTATGCCACCTGAAGCTGTTGATCCTGTGTCTAGACTACTGCA
ATACTCTCCTAACCTAAGATGCACAGCGTTGGATGCCTTGACTCATCAATTTTTGATGAGCTTCGTGATCCAA
ATACCCGATTGCCTAATGGACGCATCCTTCGCCACTATTCAACTTTAAAGCTCATGAATTGAAGGGTGTGCCT
GTTGAGATATTGGTGAAATTGATACCAGAACATGCAAGAAAACAGTGTCCATTTCTGGGTTATGAGTTTGAT
TAGAAACATAACCGTTTGACCGGTGGTGATTTCTTGACAAAGAAAGCTACGGGTGTCCAGTCTGTGCTATTC
CTTCTGTTTGCTATGAGTATATCTCTGTATTACCTGCTACCTTGTTTTGAAAGAGCAGATCTAGATATGTTCTTA
ATGAATGGGTAACAACTCTATCTAATGTTCCATGTGTATTGAATTCGGGTTCAAGTGTTTTAATTTGATTAGG
ATTTGGATGTAGTTAAGGTGAAGTTGGCAGCGGATTTCTTGGTCCGGCTGCCCTCGACGGAAGTGGCTTACCT
GGCTACACAGTCTAGTTATTGGAAAAACATGTGTGTGCCAAGTATGTATCAACCTTTATCTCCATGTGCAGAT
GATGATGTATCTACTTCCACTTGACACTTCTATGAACACGGACTTTCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_42 XM_002323654|Populus trichocarpa auxin efflux carrier component, auxin transport
protein, mRNA

CTCTCACAAATCGCCATTGCCAAACCTCAGAGCTGCTTTCAACTCTTTATCTTCATCCTCTTCATCCATTTTCAC
TTTTTTTTTTCTTTTTTTGAAAATTTAGATTAGGATCTGTTCTTGTTTCTCTGAAAAGTGAAGCAAAATTTCC
CGAACTTCATGTTTTGATGATTAAGTCCGAGTGCTGAGATTTAGTCCGTTTGGAATTTAGTGGGTTTACAAAGG
AACCCCTATTTATATAGAACGAGTTTCAGATTTTGAGTTTTGTTTGGTGGTGATCAGAAGATTGAGTGACAAA
GAGGAGATGGACATGGAAAGATTCTCTCAGCCATCGTCTCGGAAGTTCAAGCGGGAGGGAAGTCTCTGCTT
GTCACTATTAAGATTGCTGTGTACCCATAGCCAAAGTTTCACTATGTGCTTTCTGGGTTTTCTTATGGCATCT
AAATATGTCAACATCTTGCTGCAAGTGGAAGGAAGCTTTTGAATGGGTTGGTCTTTTCGCTTTTGCTTCCATG
TTTAATATTCTCTCAGCTCGGGCAAGCTATTACTCTCGAGAAAATGCTTAAATGGTGGTTTATTCCTGCAAACG
TTGTTCTGGCTTCGATATCAGGTTCCCTAATTGGATTAATTGTTGCATTAATTGTTGCATTAATTGTTGCTCCTCC
ATACCCCTTCTCAAGTTCACAATTGTACAAATTGGAATTGGGAACATTGGAAATGTGCTCTCGTTCTCATTGC
AGCTCTATGTAGAGATGATATGAATCCTTTTGGTGATGAAGAGAAATGTAGCACTGATGGGATTGCTTATATT
TCATATGGCCAGTGGGTTGGTGCAATTATCCTGTACACCTATGTTTATGCGATGCTGGCACCTCCACCTGAGG
GTACATTTGACATCAAAGATCAAATATTCCAGTTAAGAATCTGCTAAAGGATAATACGCCTGCACATGTTCCC
TTGCTCATTAGGAGGTAGCTTCAAATATCCGGATGCTCCTAAGAAGGAAGAGACTAAGGGCTTCCTTATGT
ATTGGTTTGACAAATTGAAGCTCAAGCAAATTTTTCAGCCTCCCATCATTGCTTCGGTCCAGCTATGTTATTGG
GTGCAACTCCATTCTTAAGGCGATTGATCTTTACTCCTGATGCTCCATTGTTTTCTTCACTGATAGCTGCATAA
TGCTCGGGGAGGCTATGATTCCATGTATCCTGTTGGCATTGGGAGGAAACCTCGTTGAAGGTCCTGGAAGTTC
AAAACCTCGGGCTACGGACTACCGCTGCTGTTATTTTTGCAAGGTTGGTTTTGGTTCCTCTGCAGGGGTTGGC
ATAGTCATGTTAGCCGACAAGCTTGGCTTCCTTCCAGATGATAAAATGTTCCGATTGCTTCTTCTTCTTCAG
CATTCGATGCCAACATCTGTCTCTCGAGTGCTGTGGCTACTTTGAGGGGTTGTGGTAGAGAATCTGCTGCTAT
TCTTTTCTGGGTTTATATATTGCGTCTATCTCAATGGCAGGGTGGTTTATCCTCTACTTCAGGATACTCTTCTA
AAGAAATTGCAACCTTGTAATAAGTTTCATATCCAATACTTCTCCTTATTCTTTGTTAAATATGGGTGTCATT
GGTACTTGTTAGAGAAGACCAGTATCGCTTAGAAATAGTATTTTTTTGTTTGAGATGATTATGTATCCTAAAGC
TAATAAGCGAATTAGTTGCTTCAATACGGTGGGTGTGAACAAGAGATATTCTATTAATGAATAATCCATGCTTC
GTAGATCACATGGAAAAAGACATTATGGAGATGAATAAAGAGATTATGTTAATTG

>trans_s_43 XM_002873917|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin alpha-3 (TUA3), mRNA

CATTCTGCGGCATCTTCTCCCCCTCCTCTTTTTCTTTTTCTCTCTGTTTTCTCTCGATCCTTCCCTTCCTTG
AGAGAGATTGGATTTTGATTGCGGATGAGGGAGATTATCAGTCTTCATATTGGTCAAGCTGGAATTCAGGTCTG
GTAATCTTGCTGGGAGCTTTACTGCCTCGAACATGGCATTAGCCCGATGGTTTGATGCCAGTGACACATC
GGTTGGTGTGACATGATGCTTTCAACACGTTTTTCAGCGAACTGGTTCGGGCAAGCATGTTCTAGAGCA
ATATTTGTGGATCTGGAACCACTGTTATCGATGAAGTAAGGACTGGGACATACCGACAGCTTTTCCATCCGG
AACAGCTCATATCTGGTAAAGAAGATGCTGCAGAGCCTTTTGCAGAGGACATTATACAGTGGGCAGGGAAA
TAGTTGATCTATGCCTCGACCGAGTGCGAAAAGTAGCCGACAATTGCACTGGTTTACAAGGGTCTTAGTATTT
AATGCTGTTGGTGGTGGAACTGGATCTGGATTGGGGTCATTACTTTTGAACGCCTGTCTGTGGATTACGGAA
AGAAGTCAAAGCTTGGATTTTCCATATATCCTTCTCCACAGGTATCTACTGCTGTGGTAGAACCTACAACAGT
GTGCTTTCCACTCATTCTGCTAGAACACACAGATGTTGCTGTTCTTCTTGACAATGAAGCCATTTACGATATC
TGTAGGAGATCATTGGATATTGAAAGACCAACTTACACCAACTGAACCGATTGATATCCCAAGTCATCTCTTC
TTTAACCACTTCTTGCAGTTTGATGGTGCTATCGACGTGGATATAACCGAGTTTCAAATAACCTTGACCTTA
TCCACGTATTCATTTATGCTCTCTTCTTATGCTCCTGTGATTTCTTCTGCAAAAGCTTACCATGAGCAGCTATCC
GTCCCTGAAATTACCAACGCTGTATTTGATCCCTCAAGCATGATGGTCAAGTGCGACAAGCTGCATGGAAAGT
ACATGGCGTGCTGTTTGATGTATAGAGGAGATGTTGTACCAAGGATGTGAATGCTGCTGTTGCTACCATCAA
AACAAAGCGAACAGTTCAATTTGTGCACTGGTGTCTACTGGCTTCAAATGCGGTATTAAGTATCAGCCTCCAA
GTGTTGTTCTGGGGGCGATCTCGCCAAGGTGCAGCGAGCTGTCTGTATGATAAGCAATAGCACTGCCGTTGC
CGAAGTATTTTCAAGAATTGACCACAAATTTGATCTTATGTATGCTAAGCGCGCATTTGTCCATTGGTATGTGG
GGGAGGGCATGGAGGAAGGTGAATTCTCCGAAGCCCGTGAGGATCTCGCTGCGCTAGAAAAGGACTATGAA
GAAGTCGGAGCAGAAGATGTCGATGAAGAGGAAGAAGGGGAAGATTATTGAACCCGTGAATAATAATATAC
CCTGTGTATCTTTTTTTTTTCCGTTGTTTTGTGTTGTTTCTTGTTAAGTCAAGTTGTGCAATGTTTCATACATGG
TGATATATCTTGAAGGTGTGGTTTCTGTTCTTTGTACGATTCTGGGGTCTGTCATTCTATTGATTTGAAATTT
TACAGTGTTTAGAACTACTTTGCAAAGTTTATTATAAGGAGATGAGGTTTCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_44 AY104704|Zea mays PCO133361 mRNA sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCAAAGTATATATGAATAGATATAGATTAAATGAAGTAAATTAGA
AACCAATTAGAAGCGAACACGTGTCTTACATTGAAGAAATTTCAAACCCCTTTTTTGTCTTTCCTTCGTACGAC
GTGTCGACTTTTGAATTGTTCTGTTCTTTAATCTCATCGGTGAGAATATGCACACGATGATGATCGAACTCTTC
GTAGCCATGAACGAAGATGATCCAAAGTTTCAGAACTTCAATTGCTGAGAATTTCTCTTCTTCTCATTGATT
TCCATCTCAAATCCCTTGAATTGACTTTCTTCGTTATCAATTTGTTTGTGGTTGATGAGATCGATCGAAAGGA
TTTTCAACTGTAACCTAATCCGATTGTTTGTCTCTATGTTCTTTATGCTTCAATTTGATTGCTGGTGTCTTG
AGTTTTCTTAGTTCTTGAAGATGTTTTGGTTTGGATCCGGTGGATTGCGCATGAATTGGACGGAAGGTTG
GGTGCGGATCGAGCGCTTAGAGAGTAGAGGAAGCTGAGCAGCGCGCTGAAACATGTCTGCCATCGTGTGC
GGGAAGAGATCCTTATTTGAAGACCTGCCTACGCCTCCCGTTTCTAAGAGAATTCGTTGTTCTGCTTCTTCGCC
TGTGCGGTTTTGCCTCCTAGATCATCGAATCAGTCTGTTTCTCCCTTTCCTCAGACGTGCTCCTCACAATCGGC
GTATTTAGTCGATTATCTTCGAGCAATTTTCTGATATGGATAAGCAGCTTCTAGAAAGAGCACTTGAAGAAT
GTGGTGATGATCTAGATTTAGCCATTAGAAGCTTGAACCAGCTTCATTTAGGATATAATGACAGAACTTGGG
AAGTGCTTCAAACCTCTGATGTGGCTTTGGAAGCAAATGTTCAACCTCAATCTCAAGACACACAAGGAGAA
GCTGCAATTGCGGAGGATGCAACAGCCTCTGAGAATCTCCACAAATGGTGCAGAATGGTGGATCTCTTTG
TGAACGAAATGACAAGTGCCTCAAACATGGATGACGCACGCAGCCGTGCTTCAAGAGTTCTTGAGTTCTAG
AAAAGTCTATCTGTGCCCCGTGCAAATGCAGAAGCAGCAAATAATTTTCATCAGGAAAACAAGATGCTTAGGGA
ACAAGTGGAAGCCCTTATTCAGGAAAACACTATTCTCAAACGAGCTGTCTCTATCCAGCATGAACGTCAAAG
GAATTTGAAGGCAGGAACCAGGAGTTGCAACATCTCAAAGAATTAGTCTCTCAATACCAGGAGCAGTTGAAA

ACACTTGAGGTGAATAACTATGCACTTACAGTGCATCTTAAACAAGCTCAACAGAGTAGCTCCATTCCAGGGC
GTTTCCACCCTGACGTTTTCTAATTCGGAATTACTACATTGAAACTGCGGTAAACTCGATCCTCACAAGACTTCT
ATTCTATCAAAATAGATAATAGTAAGATGACCAACTTGAACCTCAATCAGTAGCATGTTTGTGGGTTCCTCTTTT
TTATCTATAAGGTACAAAAGAGTCCAGGCATCTACTTTTCCATCTGTCTAGTACATGGATTAATTCCTTCTTCTT
CTTTCTTTTTCATTTAGTTGTTTCTGCTCTACCATTTGGATTAAATTTGATTCCAATAGATATATCTTTTGTTATTAT
TTTTGTCTTTTCATTTTACCTGATTATAGTTTGAAACCTGATTGGAATACAGAGAATAAACTTCGAACGAAAA
AAGTTTCATTACTTTTCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_45 AY573572|Populus tremula x Populus tremuloides cellulose synthase (CesA2)
mRNA, complete cds

CAACGGGTATCCTAGAAATGCAGTGGGGAGGTGTCGGGATCCATGATTGGTGGAGAAACGAGCAGTTCTGG
GTTATTGGTGGTGCTTCGTCTCATCTTTTGCACCTTTCCAGGGTCTGCTAAAGGTGTTGGCTGGTGTTAACAC
AAATTTCACTGTCACATCCAAAGGAGGAGACGATGGGGAGTTTGCCGAGCTTTACCTCTTCAAATGGACATCA
TTGTTGGTCCCTCCCTTGACCTTATTGATCATAAACATTATCGGAGTGGTTGTCGGAATTCAGATGCCATCAA
CAATGGCTACGACTCATGGGGTCCGCTCATTGGTAAGCTGTTCTTTCATTCTGGGTGATTGTCCATCTGTATC
CATTCTCAAGGGTTTGATGGGGAAGCAAGACAAGGTACCAACTATTATCATTGTGTGGTCAATCCTTCTATCA
TCTATTTTGTGCTTTTATGGGTCCGAATCAACCCCTTCTCGATAAGGGTGGCATTGTGTTGGAAGTTTGC GG
GTTAAATTGTGACGACTAAGATGCCGAAATATACACGACATGAAGGATTACGGGTAGGAGTTGTGTTTCTAAT
TTGTACGATTGAGCGTGGGGACTCACTAGTCTTGAACATGCATTGAATAGAATACGGTAACGGTACTCCACCC
GAGAATGCAAAGCATGAGTCAAAAAGAAAGATGAGTTGCAAAGGCTACTTGTCTGGATTGTAGATATGGAG
GAATTTGCATATCACACATCATCAAAATATTTGTTCTCTGCAAACCTTTGTTATTGATTCTTTTTTCTTCTTCTA
TACATGGTTTTTTATTTTGTGGAAGGGACTGTAATTTATATTTTGTGTCTGAAATCCAAGAGCACATAAACATA
AAGAAAGGAGGTGGGTGTTAGTTTGATTCTTCATAAATTTATCCCTTCTCAACAAAGGGATTTCCTATTCCCTT
AGGTGGTTTTGTCAAGATTAAGATTATTGTTGTTGTATCCTTATTTGTTGTTGTAAATCTCTCTTCACCCAATCA
GGGTTCAAGTTTTCTTCTTCTTCTTCTTTTAAATTTATGGTTTCAATTTTAACTATGAAATTCTGCCTGTTGTAA
CACAATAATTATAGTTGTCTATCTTAATGCAATAATGGAGGGCTTCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATT
AAAAAACCCCCACCCCCAAGGGGGGGCCCCGAACCAATTCCCCCAAGGGAATCCAAAAACCCCCCCCCC
CTGGCCCCCTTTTAAAAACCCCGGAAGGGAAAAACCCCGGGTTTACCCAAAAAACCCCCCTGAAACCAAC
CCCCTTCCCCCACTGGGGAAAAAAAGCCCCCCCCAAATCCCCTTCCAAAAATTCCCCAACCTAAAA
GGAAAAAGGAAACCCCCCTGAACCCCCCAAAAAACCCGGGGGGGGGGGGTTACCCAAACGGGCCCCC
TAACCTTCCCCACCCCCCAACCCCCCCCCCTTTTCTTTTTTCCCTTCTTTTCCCCAATTTAGGCGGTTTTTCCCG
GAAAACTAAAAAAGGGGGGGCCCCCTTAAGGGTCCAAATAAAGGGTTTACCGCCCCCCCCCCCCAAAAAACT
TAAAAAGGGAAGGTCCCCCAAGGGCCCCACCCCGGAAAAACAGGTTTTTCCCC

>trans_s_46 XM_002874771|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata adenosine/AMP deaminase family
protein, mRNA

CTTCTTCTCAGCAACCCGCTACCCGTAGAGACACACAAAGAAACAAACCGAAGCAGAGATGGAATGGTGCC
AGTCGATTCTAAAGTAGAGCTTCATGCCACCTCAATGGCTCTATCAGAGATTCTACTTCTGGAGCTTGCC
AGAGACTTGGGAGAGAAGGGTGTGTTTGTGTTTCTGATTTGAGCATGTCATCCTCAAAAGCGATCGATCTCT
TGTTGAAGTGTCAAGTTGTTTGACCTTATCCACATGGTCACCACGGACCATACAACCTATTTCAAGAATCACTA
GAGAAGTTATTGAAGATTTTGCTTCTGAGAATGTTGTTTACATTGAATTAAGAACAACCTCCAAAGAAAAATAA
GTTAATTGGAATGAGCAAACGATCATATATGGAAGCAGTTGTGGAAGGTCTGAAAAGTATCAACAGTGTTGA

TGTTGCTTTCATGCCACATGATGTTGATACCCACAGTCCATTGAATTCTCTGTCTACAGACAATAATTGTAATGT
AACTCCAAGAAAAAGAATATATGTTAGACTTCTTCTGAGCATTGACCGGCGAGAGACCACTGAAGATGCCATG
GAAACTGTGAACTTGCACTGGAATTGAAAGATGTGGGAGTAGTTGGTATTGATCTTTCAGGAAATCCAATTG
TGGGTGAATGGACTACCTTTTGGCCGGCTCTTCAATTTGCAAAAGAAAAATGGTCTTGCCATAAACTCCATTGT
GGCGAGGTACCTAATCCGAAGGAGATACAAGCCATGCTAGACTTTTGGCCGCAGAGGATTGGCCATGCTTGT
TTCTTTGAAGGAGACAACTGGGAAAAGCTGAAACATTTGAACATTCCGTTGAAATTTGCTTGACATCCAACA
TCCGGACCAATTCAATCTCTTCACTAGATGTTTCATCACTTTGCTGACTTGTACAAAGTAAACCATCCTTTAGTTA
TCTGCACTGATGATTCTGGTGTCTTCTCAACAAGTGTTCAAAAGAATACAGTTTGGCAGCCTCTGCTTTTGGTC
TTGGGAAAAAGGAAATATTTCAAGTTGGCAAGAGACGCTATTGAATTTATATTTGCAGACAATGAAATAAAGAA
GATTCTGAATCAGGTGTTTGATTCTTACGTAACAAACCTGGCTCTATGATCTTAAGTGCATTTGATATGCACGG
CATCCATTTCTCACGGGTTTTGTATTGCATCTCTCAGTAGCTTCCTAGTCCTTGACAAACAAATTACACATGAAT
TTCTGAAGTCGTACAGCGGACAGCAGGAGATAAAGCACAAACTTTTCATGTTGAGCATTCTCGTTGATGAAT
GGAAATCTGATCAATTGAAAAGGCTTCTACTTCATTGATCTTCTCTGTTCTTTAAACCTGTAGTCTTTACTCTTCT
GGACACTTGTTAAGTTATAGATAGATATAATTTGGTTCACATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAAATTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGGGCCCCGAC
CCCATTTCCCCCTAAAGGGGGTCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCCTTTTAAACCCCGGGGGGGGGGAAAA
ACCCGGGGTTTCCCCAATTTAAACCCCTTGCAACAAACCCCTTTTCCCAGGGGGGGGAAAAAACAAAAAGGC
CCCCCCAATCCCCCTTCCCAAATTTGCCAACCTAAAGGGAAAAGGGAACCCCC

>trans_s_47 L01448|Glycine max G-box binding factor (GBF2A) mRNA, 3' end

CTCTCTGCGAGAAATTTTTCTCCCTTTTGAAGAGCTTCTTTTTCCCCCCCCGAGAGATAATGCAGAGGATTC
AAGCTGCTGTTTTCGCCATCGAAGTTAGTTGAAGCTCAAGCTCTGCCAGCTGATCATAATCGGTGCCAAAGG
TCTGTCATATTAACAGTGAGTTAATTTGTCCAGTTTGAGCTGTATCTGTAACATGGGAACTAGTGAAGAGGCG
AAGTCTGTGAAGACTGAAAAACCATCTCACCAACGCCGCCGGATCAGAATGGTGTACCAAATTCAGCCAGTA
TTCATGTTTTTCTGATTGGGCAGCCATGCAGGCATATTATGGTCCTAGAGTTGCAGTTCCACCATACTACAAC
TCTGCTGTGGCTTCAGGTCATGCTCCGCACCTTATATGTGGGGTCCACCACAGATGATTCTCCATATGGTAC
TCCTTATGCAGCAATCTATTCTCATGGAGGTGTTTATGCCCATCCTGCAGTTTCTATGGGACCACATTCACATGC
CCCTGGTGTTCTTCATCACCTGCGGCTGCAACTCCTTTGAGCATCGAAACACCTTCAAAGGTATCTGGAAATA
GTAGTCAAGGTTAATGAAGAACTGAAAGGTTTTGATGGCCTGGCAATGTCCATAGGCAATGTTAGCACTGA
GAGTGCTGAAGGGGGAGCTGAGCATGGGCAATCAGAGAGTATGGAACTGAAGGTTCCAGTGATGGAAGT
GATGGAACACTGCTGGGGCAAGTCACAACAAAAGGAAACGAAGCCGTGAGGGAACACCTACCACTGGTGG
TAAGGATGCAAAAATTGAACCACAAGCAAGTCTGTACTGCTGCTGAAATGAATGAAAGCTCTAGCAAGTTA
TTGGGCACAACCAAAGCAGTTAATGCTACTGGAAAACCTGGATCTGTGATTTCTCCTGGAATGTCGACTGCATT
GGAACTGAGAAATCCTTCCAGTATGAATGCTATGACAAGTCCAACCTACCGTTCCGCCTTGTTCAAGTGTTCCTT
CTGAAGTCTGGCTCCAGAATGAAAAAGAACTAAAACGGGAAAGGAGAAAAACAGTCTAACAGAGAATCCGCT
AGGAGGTCAAGGCTAAGGAAGCAGGCTGAAACAGAAGAACTAGCTCGTAAAGTTGATTGCTGACTGCAGA
GAATGTTGCTATTGATCTGAAATAAGTAGATTGTCGGAGAATTCCGAGAACTTAAGAAAGAAAACTCTACA
CTAATGGAAAAGCTTAAAGCGCTCAATCAGGACGATCAGAAGCATTAGACATGAATGAAAAGAAAATGCAA
CAACCTGTAAGCGCAGAAATGAAAGGACCTGTGAATAAAAGCATTAGCGAAGAGAGTATCATCTGCAAGAAA
AACTCGAGTTCGGGTGCAAACTGCGCCAGCTCTTGACACGAGTCCGAGGGCGGATGCAGTTGCTGCTAGC
TAAAAGAACCAGTTTAATTGCAGTTTCTTTTTCTTTTTTTTGTGGTTTTGGCATATTACAAGCCCAAAATTACT
GCTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAGTTACAAAGAATGAAAACAACTGAATAGGATTGTCTGTGAGAAAGAG
CAGACTCTAATTTAATGGTTAGTTTGCTGAATAGTTGTATTATTATGTGTAACGATAAAGAACACTGGGGTTG

GCAACTTTTACAAACAATTTGATGTAATCGTTGGAGATTAGAGATTTTGTAGCTTTACATCTCTATGCGCACCTCG
TGCCACATGATAATCATCAATTGCTGGATTGTAAGTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_48 D70895|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for 3-ketoacyl-CoA thiolase,
complete cds

GGTACATGAAATAAATCGTAGATTAACCATTTCTTGATTTTTCTTTCTTCTATCGCAATTTCTCAAAGGAGAAAA
CCAAAATGGAGAAGGCAATCAACAGGCAGAAGGTTTTGCTTCACCATCTCCGGCCATCTTCTCCCTTCACTCT
CATGATTCTCCCTTATCGGCATCAGCATGTTTAGCTGGGGATAGTGCTGCATACCAGAGGAATTCGGTTTTTGG
GGATGACGTAGTGATTGTTGCAGCATATCGAACTGCTCTTTGCAAATCAAACGAGGTGGCTTCAAAGACACT
CACCTGATGATCTTCTTGCCTGTTTTGAAGGCATTGATTGAGAAAACCAATCTCAACCCAAGTGAAGTTGG
GGATATTGTCGTCGGCAGTGTTCTGGGACCAGGGTCCCAAAGAGCAAGTGAATGCAGGATGGCTGCGTTTTA
TGCTGGTTTTCTGAACTGTGCCGGTGAGAACTGTTAATAGGCAATGCTCATCTGGATTGCAGGCTGTTGCA
GATGTAGCTGCTGCTATCAAAGCAGGGTTTTATGATATTGGCATCGGTGCTGGTTTGGAGTCTATGACTGTCA
ATCCAATGGCTTGGGAAGGATCAGTCAATCCAAAAGTAAAGATGTTTGAACAAGCTCAAAATTGCCTTCTTCC
CATGGGCATAACCTCCGAAAATGTTGCTCATCGTTTTGGTGTGACTAGGGAGCAACAAGATCAGGCTGCAGTT
GAGTCTCACAAAAAGGCTGCTGCTGCTACTGCTTCTGGTAGGTTTAAAGATGAGATTATCCCTGTGAGACCA
AGATCGTTGACCCTAAACTGGTGAAGAGAAATCTGTTACAGTATCTGTTGATGATGGAATTCGGCCCAATGC
CTCATTGGGAGATTAGCAAAGCTGAAGCCTGTATTTAAAAAGACGGAAGCACCACTGCAGGCAATGCTAG
TCAAGTGAGTGATGGCGCTGGAGCTGTACTCCTCATGAAGAGAAGTGTTGCAATGAAAAAGGGACTACCCAT
TCTTGGTGTCTTTAGGACTTTTGTGCTGTTGGTGTGGATCCGGCCATCATGGGCATTGGTCCAGCTGTTGCTA
TCCCAGCTGCAGTGAAGGCTGCCGGTCTTGAGCTTGATGATATTGACCTTTTCGAAATAAATGAGGCATTTGC
ATCACAATTTGTGTATTGCCGCAATAAGTTGGAACCTTAACCCAGAGAAGATTAATGTTAATGGAGGTGCAATG
GCCATTGGGCATCCATTGGGTGCAACAGGTGCCCGTTGTGTTGCTACTCTGTTGCATGAGATGAAGCGGCGTG
GCAAAGACTGTCGTTTCGGAGTTATTTCAATGTGCATAGGGACGGGAATGGGCGCAGCTGCTGTCTTTGAGA
GGGGCGACGTGGCTGACGAGCTATGCAATGCTCGGAAGGTTGATAACCACAATCTATTGTCCAAGGATGTTT
TATAGATAGATGACAAGACTCTGCTGCTTTACACTTAAATAATTTTATTATTATTTTTAAAAAACAAGA
ACAATAATTTTAGTTCTTCCAATAATTAGATGATAATAAGTTCTATTGTTTGAGAACCTGATCGTATGTACGTT
AATCTATCTTGATGATGGATGGACATAATCATATGAATGTGTGATAGCATAAACATTTTACAATTGTCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAATCCCATCGAC
CCCCAAGAAGGGTAAGGATACCCCTTAACCTATGGGGGGCCCGATTACCCGTTCTCCC

>trans_s_49 AB078329|Lithospermum erythrorhizon LeME mRNA for cytosolic NADP-malic
enzyme, complete cds

TTTTCTCTTTTACAGATCATCAAGGAAGTAATTATCTACTTTTTACAACAAATATAAAACCAGCGGCCGCCAGT
GTGCTGGAAAGCAACAACCTCAGGAGAAGAAGTTGATGCAGAACATCAGGCAGTATCAACTTCCACTACAAA
AATTTATTGCCATGATGGAACCTCAGGAAAGAAATGAAAGGCTCTTTTACAACTTCTTATTGACAATGTCGAA
GAACTGCTTCTGTTGTCTACTCCACAGTTGGTGAAGCGTGTCAGAAGTACGGAAGCACCTTCAGGCGTC
CTCAGGGTCTTTACATTAGTTTGAAAGAGAAGGGTAAGATTCTTGAAGTATTGAAGAATTGGCCCCAAAGGA
GCATTCAAGTAATTGTGGTGACTGATGGTGAGCGTATTTGGGTCTTGGTGATCTTGGTTGTCAGGGAATGGG
AATCCAGTTGGAAAACCTTTCTTTATACACCGCACTCGGAGGAGTTCGTCCTTCTGCATGTTTGCCTATTACAAT
TGATGTTGGGACAAACAACGAGAAATTGTTGAACGATGAATTCTACATTGGGCTTAACAGAGAAGAGCAAC
CGGAGAGGAGTACTATGAACTTCTAGATGAGTTTATGACTGCTGTTAAGCAGAATTATGGGGAAAAAGTTCT
GATTCAGTTTGAAGATTTTGCAACCACAATGCTTTGAGCTACTTGCCAAGTATCGCACAACTCATCTAGTCTT
CAATGATGACATTCAGGGGACTGCGGCTGTCGTTCTTGCTGGAGCTGTTTCCGCCCTCAAACCTATTGGTGGT

ACCTTGGCCGATCACACATTCTTGTTCTTGGTGCTGGAGAGGCTGGAAGTGGTATTGCAGAGCTTATAGCCC
TTGAAATATCAAAACAGACGAAAGCTCCAGTTGAGGAGACCCGCAAGAAGATCTGGCTAGTCGACTCCAAGG
GATTAATTGTCCACTCGCGTAAGGATTCACCTCAACACTTCAAGCAGCCATGGGCTCACGAGCATGAACCTGTC
AAGGATTTATTAAGTGCTGTGAAGGCAATTAAGCCAACAGTCCTGATTGGATCATCTGGAGTGGAAGGACT
TTTACAAAAGAAGTCATTGAGGCTGTATCCTCCATCAACGAGAAACCTCTTATTATGGCTCTTTCCAACCCGAC
GTCACAATCTGAATGCACTGCTGAAGAGGCTTACACTTGGAGTGAGGGCCGTGCAATCTTTGCCAGTGGAAG
TCCATTCGATCCATTTGAATACAATGGGAAGACCTTTGTCCCTGGCCAGTCCAACAATGCGTACATCTTCCCTG
GGTTTGGTTTGGGTGTCGTAATTTCTGGAGCAATTCGTGTCCACGACGACATGCTTCTGGCTGCCTCGGAAGC
ATTGGCTGCCCAAGTCTCCGAGGAAAACACTACGACAAGGGATTGATCTACCCGCCCTTTACTAACATCCGAAAG
ATCTCGGCAAAACATTGCAGCTAATGTGGCTGCCAAAGCATATGAACTTGGTTTGGCAACCCGTCTCCACGCC
CTGCAGATCTAGTCAAGTATGCTGAGAGCTGCATGTACAGTCCCGTCTACCGAACCTACCGATAAATGCAACA
ACGTACCGTTCTTGTTTGCATTTAGAGCTTTTTAATAGGAGCTCTGTAATATCCTCATACTATGTGCTCTA
AGAGAGAGCTTGAAATCTATTACCTGTAATGATGTAATGTTGTAATGTTTTTCTTCAGAAGTGAGAAGTTAT
TTGTTAATGGAATAAGTTTTTGTATCAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_50 XM_002298382|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ATCCTAACCTAATTCTCCTACGCTAATTCTCCCAAAGTACTCTGCGAGGGCAGGACATCAATCAATCGTCGACC
ATCCGGAGCCCTCCTTTTCGTTTTTGCCGCTTGTTTTCGCTTCATAATTTGTTATCTCTGTTACCTTCTTCACCAA
AATCGCCGTGAATTTTTCTTCAGCAATTTACAGGTCTCCCTCAATTCCTTGATTGTTCTAGCAATGTCAGGTTA
TCTTCCACACAAAGTCTTATTTAACATTTTTCTAAATCTTCTCCAAAACCCCTATCCTCTGTTTCATGCGTCTCA
AAATCATGGCGCTCTGTCATCGCTAATCCAAGTTTCATCAGCACCCATCGCAACCAATCTTTAACCTGCAACAG
GAAACTCCTGATTCTCAGGCGGTATTATGGTAACACAACCAAGCAGAAATTCCGGTATTGCTTCATTTGATA
CAGACACATTGGATCTATACCAGGAGCTGAAATCCCATTCTCAATTCTGATGGGGATCTTAAGATTGTGGGT
GTTTCCAATGGACTGGTTTGCTTTTTAGGTCTTGAGCTTCTTTGTGGAACCCATCAATTCAAAGAGTTGTGGC
TGTTCTAGAACACGCGAAACTGTCTCCATCTACGGTATTCCAGATTACTACGCACTTGGATTGCGCTTCGATT
CTCGTGCCAACGACCACAAGGTGGTTAGATTGTTATATTTGAAGTGAAGGCTCCTTTTAATTATAAAAGATCT
CCTAAAGTTGAGTTATATGAGGTTGGGACAGGTTTCATGGAGAGCAATTAAGGCTCCTCGCTGCGAG
ATAGTTAAATCAGGATGGACACAAGCTTTTTCCACGGAGCTGTCCATTGGATTGCATACAGGGAAATTGACA
GGGTTATAGGTGTTTCATTTGAGATTGATATAGTTAAGGAGTGCTTCAGTACAATTGATTGCCTGATTGT
TTGGCTAATAGCTCACCATATGATTTGAAAGTTGCTGTGCTAGGAGGAGCACTTCCATTATATTGTGTCGCTG
GTATTGTTTTGAAACATATATGTCTTCTGTTTGGGTGCTGAGAAAATATGATATCCCTGAGTCTTGGACTAAAT
TAATCAGGTCTGGTCCATCACAAGAGTTGGGAATAGTGTTAGGACTTAGGGAAAATGGACTGATGCTTATGG
AATCTAAAAGGGGGGAAGTAGTTTTGTACAATCCATATATCCGGCTTATGAGAAGTCTTGGAATTTATGGTGC
TGAAGGTACTTTCTATTTAGATTGCTATGTTGAGAGCTTGGCTTTACTGAATGAAGGGAAAGGAATTTGCGAG
AAAGTGTTGAAGCTTATGATTAAGTCCTTAGTTTGCTGCTGCAAGATGATTGATAATAATGGTAACGATTTAT
TTCTTAAAAAATATTGGGTCTCTCCCTTTTGGCATGTATATTATGTTAATGTTGATAGGCTCAGTATGATGTGAA
CTTGATCCTCTTTAATTTGAAATATGGTCATGGTTCTTTGTTTTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTTTAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCGGA
CCCCATTTCCCCCTAAAAGGGGGCTAATAACCCCCCCCCCGGGCCCTTTTTTACAACCGGGGGCGGGAAA
AACCTGGGGTTTCCCCAATTTTATCCCTTGGGAACAATCCCC

>trans_s_51 AY564238|Cucumis sativus male-specific expression region sequence

AGCCTCTGGTGACGGATTTTGCTCATTTCTTTGTTGTTCTGACAGGTTCAACACCAGATCTGACTACTCTTCTT
ATTGGATCATGTTCTGACGACGATTTTTGGATTGTTATATAGTTCTTTATCTTTATTCATGGTGCTACATCCATT
TCTACGACGATTGAGGAAGTATCGTTCTAGTACGGATAAATTCGGGTTTGTTCCTTGATATTGGTTATTTGCTT
AATTATTATGCAACGAAAGGCGTCTCGATCTGTTTGAACAGGTTTGAATCAGATCGGTGGTGGATGCTAGTG
GAGGCGATTACGCGTGGCGTTTATGCTGGAGATGAAGCGGCTCGGTGCTGTAGATGTAGCGGATTTTCATCTG
GAACTTGTCCGTTGGTTAGATGTAGCAGATATGTGGACAAACATTCGATGGAAGCTGTATCATCTTGTATCAT
AGTTATGAAAGCATGGGAAAGAGTAGATGAGTGATTGTGGATGTAAAAGATATCGGGATTTATCCTCTTTTTT
TGAGGTGGATGAATTCTGGTAGCTCTTGTCTATCCGGCCTTTGCCATGACAGGTGCGCTTGCATGGCAGGTCA
TTCATAATAAAAAAATAGTATGTTTTGGTTTTGAGGGGAGATTGCACGGGGATTGCCCCGGGTCTCCCCTCAC
TGTGGTCTGTTTTCTTCTTGCTCTCTTCTCTCGTCAACTTCAACCGACAGAATCACTTCTATGGTCATAGCGT
TTGACCTGATCAACCCGCGACACACAAAGGTAAGTCTGACTTTTCATTTCAAGGCTCGTAAGAAAAAAAAAAGCAA
TCCTACAATTTAAATTCGTTAAGCAAAAAAGCCGTTATGGAGAGAAAAAAAAAAGAAGATTCTAGTTTGAATA
GTTTCGTACTTATCATCATATTACTGAACTCTCAAGTTTATCATTAAACAGAAACGTTTTCGGTCTAGTATCGTTTT
TCGAACTTGTTTTAAATCAGTAGTAATGGTAACTTTGGGAATTTTGAATGACAGTTTTTGAATATGAGGAG
TACATGTCATTTCTACAATCTTAGCAAAGGTAAAGTAAAAGTTTACATGCAACAATTTATACATTGTGAACTGT
AGCGCACCCCGCCATATTCATATTATGTTTAATTTAAGTAATTATTTACGATACTTTTTTACAGAACTTCATAATA
TTGCTCTATATTTTTCCCTACCAATAAAACGTACTTGATTAACAGTATATTCAATTTAATCATTTATTCCTCTAT
TCTGCACTATATAATTGAAGGCTTCTCAACTAGTATAGGTGGTAGCGATCTCTCTTTGTATCGTTTTGATATGT
GATACTATGTGCCGTCTGTTAATATCCATTTATATGTACTATCCAATTGGTGGGGGTTATATACTTGGTTCATG
TATTCGTATTCCCGGCTATGTCGTTGTTAGTAGATTGTGTGGAAGACAACCTCTAATGCCGGCAACGTAGAGT
AACCCATGCCTTACAACGGCGACAGCAAGAGATGGAGACCACGGTTGGTGGGGGCAATTTAAGCGGCTCGG
CTTGGGAAGAAGCTATGATCTTATGGTATTTTACTATATTTTTGCTTACTTTGGATTCTTCCACGCACTGCTAT
ATTGTTTTGCCTTCGTGTTTTGAGATATCTTGTGTGTACTTCTATTTCTAAGTGTTGAAGAAACAGTCCTAGGT
TTTGTGGGAATTTCTTTTGAAGCTTGATCAATTGGTATGAAGTCACGTTACAGTGTTGGTAATAATTGTGC
GAAGTATCTTTTTTCAACAAAAAAAAAAAA

>trans_s_52 AY062520|Arabidopsis thaliana serine/threonine specific protein kinase-like
(At5g15080; F2G14_200) mRNA, complete cds

ATTCGAGGAGTTTTGAGATTATCTGTGTTCTTTGGTACTTAAGGCATGGAGGTAATTGCTGAAGATGGGAA
AGTTGAGTCTCGGGAAGTTAGGGAATCGAAGGGGAAGAAGAAGCAGAAAAACAACAAGGAACAAGTTGAA
ACCGTGGAAGAGGAGACTGGTTGTTGGATTGCTCTGAGGATTTTTGGTAGCTGCATTTCTTCCAGATCCAAAG
TTGATAGTTTCGATAAGTGGGACTAGTATCAACTATGCTGAAAGCAAGTCTACGGCTGATTCAAGTACAGACCA
ACCAACTCCTCGAGAGATATCTTCAACAAACACAACATGAGTAATGGAGAGAGTAATTCATCGACTTCCAAA
CTAGAAGAGGAACCTAAATTTCTCCTCATCTACAGAAATTTTCATTTAATGATCTTAAGTTGGCTACAAGGAA
CTTCAGACCCGAGAGTCTTCTGCCGAGGGTGGTTTTGGTAGTGTTCTTAACGGTTGCGATGAAGAAAACGGA
ACAGCTCCAGTTAAACCTGACACAGGACTCACTGTTGCTGTTAAAACCTCAACCATGATGGTCTTCAGGGCCA
CAAAGAATGGATGGCTGAAGTTAATTTCTCAGTGATCTCAACATCCCAACTTGGTCAGACTTATTGGTTACT
GCAATGAAGATGATCAAAGACTGCTTGATATGAGTTCATGCCTAGACGAAGCCTAGAGAATCATCTTTCCG
GAGATCTCTACCACTTCCGTGGTCTATTAGGATGAAAATTGCACTTGGTGCTGCCAAGGGTCTTGCTTTTCTCC
ATGAGGAAGCAAAAAGACCTGTGATATATCGTGATTTTAAAACATCCAACATTCTATTAAATGCCGAATACAAT
GCCAAGCTTTCTGACTTTGGACTTGCAAAAAGATGGACCCGATGGAGATAAAACCCATGTCTCTACTCGGGTGA
TGGGAACATATGGCTATGCAGCTCCAGAATACGTTATGACTGGACATCTTACATCAAGGAGTGATGTTTACAG
TTTTGGGGTGGTCTTCTCGAAATGTTAACTGGCAGAAGACCCATGGATAAAAACCGTCCAAATGGTGAACAT
AACCTTGTGGAATGGGCACGGCCATACCTAGGAGAGAAAAAGAGATTCTATCGCTTGATAGACCCTAGGCTT
GAGGGTCATTTCTCAATAAAAGGTGCTCAAAAAGCAGTACAATTAGCTGCTCAATGCCTTAGCCGAGATCAAA

AGGTCAGACCCTTGATGAGTGAAGTTGTTGAAGCTTTGAAGCCTCTCCCAAACCTCAAGGACATGGCAAGTTC
ATCTTATTATTTTCAGACAATGCAAGCTGACCGTGTAAGATCCAGCCCCATGGCGAGAAATGGCTACCAACA
GCGGCTGGACCAGCTCCAAAGAACGGGCAGCAACTACGCAGCTATTCAATCGCCAATGGTTCTCATGCTTCTC
CATATCATCATCAGCAGCCCCATCCATCTCCAAAACCCAATGTCAAAGCCTAAGAATTGGGTTGTTTGGTAATT
AATTAGTAATTATCTAGTTGTGTTAACCCATCTCATTTTGTGCTCAAATAGATCTCCTCCTTCTACCTCAGTATAG
ATAGATGTTTATTTTGCAAAACAGCATTGCTGGTGGATCATTGAAAAATGCTACAGGCAGAGATGTCTGCAT
TATCATCATCTTGTTAAAATGGGAAACCTGGCAGAAAGAGTGTACGATAGCAGATGAATTTTGTTCATCGATT
TCAATGTCATATTGTTTTACAAAAA

>trans_s_53 XM_002302195|Populus trichocarpa iaa-amino acid hydrolase 9 (ILL9), mRNA

TCTCCCTCTCTCTTTTCTTTTACCATTTCCTCCTCCGCCGTTTCCACGCCGCCGGAATCTCTCCTCCTCTTCTCTC
ACAATGGCCTCCTCTTAGTTTTTCTCAATTTTCATCATCGTCATTCACTTCTTCTCACTCTCCTCATCCTCTCCC
GCTGGCGGTGATCATGCCGGCTCTCCTTAGTTGGCGCCTCTGCGCCTTACAACCGCTCCGGATTCTACTTC
TCTCAAGAATCAGAGTATTGGAGCGTTGGTTTCTCAATTGGAATCTCAGAGTTGTGAGGTATGGACGGAGGCT
TGCTCTGAGGCGATCCTGAGTTTGGCGAAGCGGCCTGAGGTTGTTGATTGGTTGAAGAAGGTTAGGAGAAG
GATTCATGAGAACCCGGAGCTTGCCTTGAAGAATTCGAACTAGTCAGTTAATTCGGGATGAATTGGACCG
GATGGAGATTAGTTACGAGCATACGTTGGCTAAACTGGCGTTCGTGCTTGGATCGGAACTGGCGGACCGCC
TTTTGTTGCTCTTAGGGCTGATATGGATGCTCTTCCAATCCAGGAAGCTGTGGAATGGGAGCATAAAAGCAGA
GTCGCAGGCAAGATGCATGCGTGTGGGCACGATGCTCACGTTACAATGCTTCTTGGTGCTGCCAAGATTCTAA
AGGCTCGTGAGCATCTCTTGAAGGGGACAGTAATTCTGCTGTTTCAGCCAGCTGAGGAAGCTGGCAATGGTG
CAAAGAGAATGATTGCAGATGGGGCTTAAAGAGACGTTCAAGCCATTTTGCAGCTCATGTTTCTCATGAACA
TCCCACCGCAGTTATCGGATCCCGTCCCGTCTCTGCTTGCCGGCTGTGGCTTCTTAGGGCCGTGATTACTG
GCAAAAAGGGTCATGCTGGTTCCCGCATCGCTCCGTTGATCCGGTCTTGCTGCCTCTGCTGCCGTTGTCAGC
TTGCAGGGGATTGTGTCTCGTGAGGCAATCCTTAGATTTCGAGGTTGTGTGAGTGACGTCGTTCAATGGAG
GAAGTAATCTGGATATGATTCCGGACGCCGTTGTTATTGGTGGGACCTTCAGGGCTTCTCCAATCAAGTTTC
TACCAAGTTCTTCAAAGAATAGAGCAGGTAATTGTGGAGCAGGCCAGTGTGTACAGATGCTCGGCAATGGTT
GATTTCTTTGAAAAAGAATACACCATATACCCACCAACTGTTAATGACGAAGCAATGTATGAACATGTGAAGC
AAGTGGCAATTGATCTTCATGGTTCACAAAATTTAGGATTGTCCAACCAATGATGGGAGCCGAGGACTTTTC
CTTCTACTCCGAGTTTGTCTGCTGCCTTCTATTACATAGGAGTCAGGAACGAACTTTAGGTTGATCCACA
CAGGCCACTCTCCCTACTTCATGATCGACGAAACGTCTCCCGATTGGTGCTGCAACTCATGCAACCATTGCC
GAAAGGTACCTGTACGAGCACTGAGAATGACAAGCAAAGTTGTAGGGACTACTTCCATGGCACTCTTGTGCG
TTCAAAGAAGTTCTACTCCAAAAAATGTGATTAGTTCCACCCTCCAGAGAGTTTTCGGACTATGTTATGGC
NGGGGGGTTGTGAAAGGAGAAAAGTTGGTGCCTCCCGTCTATTGTATATTGATTAGGAGACACGAGACAT
CGTAGCTACCACGATACATTTTGAATTTTATTTTATTTTGTGTCATGGTTAATGGTGTATATATGACC
CTATAACTTTTAACTTAAATTGAACCTGCCAAAAGGC

>trans_s_54 NM_116866|Arabidopsis thaliana ATCSLC12 (CELLULOSE-SYNTHASE LIKE C12);
cellulose synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATCSLC12) mRNA, complete cds

TGGACAACCCCATTTGGGGTTAAGGATGTTTTGACTGGTTTTATTCCAAATGGGTTTTGATTCGGGTTGCATA
TTTCGCTCCTCCTACAGTTTTAGCCAATGTTGTATAGTGTTCCTCATTCAAATTTGGATAGGCTTATT
CTTTGTCTGGGTTGTTTCTGGATTGATTCAAGAAAATCAAACCTGTTCTAAGGTTGCTGCTATGGATCTTGA
GTCTGGAGAACTGGCTACTTCCCTATGGTTCTTGTTCAGATCCCAATGTGCAATGAAAAAGAGGTTTATCAGC
AATCAATTGCTGCTGTCTGCAACTTGGACTGGCCAAAAGACAAGTTACTGATTCAGGTTCTTGATGATTCCGAT
GATTCAATCACCAATTGCTGATCAAAGAGGAGGTACATAAATGGCAACAACCTGATGCCAAAATTGAATACC

GACATCGGGTGATCCGAGAGGGATATAAGGCTGGAAATCTCAAGTCTGCCATGAATTGTAGCTCTGTCAAAG
ACTATGAGTTTGTTGCTATCTTTGATGCTGATTTTCAGCCTGCTTCTGATTTCTCAAAGAAGACAGTTCTCATT
TAAGGATAATGAGGAAGTAGGACTCGTTCAAGCACGATGGTCATTCTGTAACAAAGACGAGAAGTTGCTAAC
CAGACTACAAAACATTAAGTCTTCCACTTTGAAGTAGAGCAACAAGTGAATGGTGTGTTTCTCAATTTCT
TTGGATTCAATGGAAGTCTGGTGTGTTGGAGGATAAAGGCTCTTGAAGAAGCCGGTGGCTGGTTGAAAGGA
CCACTGTTGAAGACATGGACATTGCCGTCCGTGCTCATCTTCATGGTTGAAATTCATATTCCTCAATGATGTA
GAGTGCCAATGTGAATTACCAGAATCGTATGAAGCATATAGAAAACAACAGCATAGATGGCATTGGGACCA
ATGCAACTGTTTCGACTTTGTTGCCAGATATAGTTCGTTGGAAGATTGGCATATCAAAGAAATTCATTTGAT
CTTCTCTCTTTCTTTACGGAAGCTGATACTGCCATTTTATTCATTTACCCTCTTCTGCATAATTCTCCCTATGA
CGATGTTTGTTCTGAAGCTGAGTTGCCGGCATGGGTTGATGCTACATTCTGCTACAATGTCCTTTCTCAAC
ATCCTTCCAGCACCAAAGTCTTCCCCTTCATTGTTCTTACCTCCTCTTTGAGAATACTATGTCAGTAACCAAGT
TCAACGCAATGGTCTCGGGACTTTTTAGCTAGGTAGTGCATATGAGTGGGTTGTTACGAAGAAATCAGGCCG
CTCGTCTGAGGGTGATCTTCTTAATGGTTGGGAAGAAAAAGATGAACTCTGAAAAGAGTGTCTCAGCAAAC
AACCTTGAGGAAATTGAGTTAATCCAAAAACAGGACAAGAAGTTGCCAAGGAAGAAGCATAATAGAATATAC
ATGAAGGAGCTAGCACTAGCTTTCTTCTTTAACAGCCTCAGCTAGAAGCCTCCTCTCAGCTCAAGGGATTCA
TTTCTACTTCTACTGTTTCAGGGAATATCCTTCTCCTCGTTGGTCTAGACTTGATCGGCGAGCAGGTTGTTTA
AGATGAAAACCTTGCAGTTCATCCAAAAATGACATAACCAATGATCTAAGTTCCAAATATGTGTTGAAAAC
CCCCTACTGCTTAAAGAGTGTACATTTGTTGGCCACAATCTTCGTTGCCGCACTCCGTCGACCAAGAAGAAAG
CTTGTGATGAGAAAGAAATGCAAAA

>trans_s_55 GU295064|Gossypium hirsutum triosephosphate isomerase mRNA, complete cds

AATCTTGATCGTGAACCACAACTGACACCAACAGAAACACTTTCTTCAGTCCACTTCTAGCGGCGGAGCAC
ATCAGAGCCCAACCAACCAACCGAATCCATTTCTTACTCGGCCATGGCGGGCGGTCTCTACTTCTCTCGCTTC
TCAACTCTCACCTCTCCGATTCTCCTCTTCCAACCTCCGATACTTCTACTCTCTCTTTCACAACGTCCACTCACAA
TACGCCTTGCTTCTCCCGGAAAGTTTCCCGTGGCGTTGTCGCTATGGCCGGTTCCGGCAAGTTCTTCGTTGGT
GGAACTGGAAATGTAATGGTACAAAGGAGTCTATAGCCAAGCTTGCTCAGACTTGAACAATGCAAAGTTG
GAGGATGATGTTGATGTCGTCGTAGCACCTCCATCTGTCTACATTGAGCAGGTGAAGAGCTCATTGACATCTA
GGATTGAGATTTCTGCCCAAACTCATGGGTGAGCAAGGGTGGCGCTTTTACTGGAGAAATCAGTGTGAAAC
AATTGAAAGATATAGGCTGCAAATGGGTCACTTGGCCACTCTGAACGGAGACATGTCATTGGTGAAGATG
ATCAGTTTATAGGAAAGAAGGCTGCCTATGCCTTGAGCGAGGGTCTTGAGTAATAGCTTGCAATTGGAGAATT
ACTAGAGGAAAGGGAAGCTGGGAAAACCTTTGATGTTTGCTTCAACAATTGAAAGCTTATGCAGATGCTGTT
CCGAGTTGGGATAGTATCGTTATTGCATATGAGCCAGTATGGGCCATTGGAAGTGGCAAGTGGCTACACCC
GAGCAAGCACAGGAAGTGCATGCAGCAATTCGTGACTGGCTTAAGAAGAACGTATCATCAGAAGTAGCTTCT
AAAACACGAATCATTTATGGAAGTTCTGTGAATGGAAGTAAATGTGCTGAGCTTGCAAAAAAGAGGATATA
GATGGATTTCTAGTCGGCGGTGCTTCATTGAAGGGTCTGAATTTGGAAGTATCGTTAACTCGGTTACTGCCA
AGAAAGTTGCTGCTTGATAATTTTTTAGGAGCCCCAGTGTGAGCAAAAAAGGAAAGGATGGCAATGTTTTG
TATTCATAACAAATATCCCTTGGGTTTTGTTTCCATGCTAATCAAGTTTTCGGCGTGTTAGGGTCTTCTTCAAT
GAAGGCAAGAAATAATATCCTTCTGTTGATTCTGAGGCTACTTTGCTATTGAATACTAGAGCACATAAATT
ATTGGATCCAGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTATGGAAACCCCCCGCCCCAGGGGGGGC
CCCCGCCCCCTTCCCCCAAGGGGGGGCCAAATACCCCCCCCCCGGGGAGGCCTTTTAAACGCCCCGTCC
GGGAAACCCGGGGCTTCCCCAATTAATGGCACTTGCCCCGAACCCCCCTTTCCCCCGGGGAAAAAAGAA
AAAGCCCCCCCCGACCCCTTCCCAAAATTGCCCCCCCCAAGGGCCAAGGGGAACCCCCCTTACTTCCC

CAAAAAGGCGGGGGGGGGGGGGGGGTAACCCCAACGGGGCCCCTTCCTTTTGCGGCCCCCAATGGCCCCCTT
CTTTTGTTTTTCCCCTTTTTTTTTTGACCAAGTTGACGGGTTTTC

>trans_s_56 XM_00288563|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AATCATTTTCCGAGGCTGGGGACTGCGAAAGCAATGGTTTCAAGACAAAAGGAACTAGAGAGAGGTCGTCTG
AATCTAATGAACAAGGTACCCACGGTAGATTTTTGAGAGTGAATGAGAATTCCGATAGTGGTGTGGAGCAGC
ATGGAGGTTGATGAAAGACATAATATTAGTGATGTTAGTTGTAGTCCATCGGATACTGAATCTGATGATGATA
ATGATATTTGCTCCCCGAGGAGCCTCCAACAACCACTCAACGAAGTGTAACATGCTTCAGGGATGTAGAAG
TGTTGATGAGTTTGAGAGACTAAACAAGATCGACGAAGGCACCTATGGCATTGTGTATAGAGCTAGAGACAA
GAAGACTGGGGAAATTGTGGCCTTGAAGAAGGTAAAAATGGAGAAGGAGAGGGAAGGGTTTCCGCTGACT
GCTTTGAGAGAAATAAATATTCTTCTTTTCATTCCATCACCCATCCATTGTTGATGTGAAGGAAGTTGTCGTGGG
GAATAGTCTTGATAGCATCTTTATGGCCATGGAATACATGGAACACGATCTTAAAGGACTTATGGAGACCATG
AAACATCCTTTTACTCAGAGTGAAGTAAAATGCCTAATGATTGAGCTATTGGAGGGTGTAGGTATCTCCACA
GTAAGTGGGTGCTTCATAGAGATTTGAAGACGTCTAATTTGCTCTTGAACAACCAGGGTGAAGTGAAGATTTG
CGACTTTGGATTGGCTCGTCAGTACGGAAGCCCTTTGAAGCCATATACACATTTAGTTGTTACACTTTGGTACA
GGGCACCTGAACTACTGTTGGGAACAAGACAGTATCAACCGCCATTGATATGTGGTCATTGGGTTGTATCAT
GGCCGAACTTTTATCCAAGGAACCTCTTTTAATGGGAAAATGAAGTTGAGCAACTAGATAAGATTTTTAGA
ACTCTAGGCACTCCAAATGAGACTATTTGGCCTGGATACTCCAAGCTACCTGGTGTTAGAGTCAACTTTGTCAA
GCAGCAGTTCAATCAGCTTCGTAAGAAATTCCCTGCCACATCATTTACTGGATCTCCAGTCCTATCTGAATCTG
GGTTCGATCTGTTGAGCAAACCTCTAGCGTATGATCCTCAAAGAGAATATCAGCTGAAGAAGCTCTTGATCA
TGAGTGGTTCGTTGAAGTGCCTCTCCAAAGTCCAAGGAGTTTATGCCTACCTTCCCTGCACAGCATGCTCGAG
ACAGGAGAATGCGAAGAATATTAAGAAGTCCAGACCCCCTTGAAGAGCAACGTATAAAGGAATTGCAGCAGC
AGGAGTTAGGAATACTGGCCTCTTTGGTGAGAGATGAGCTGTCAAGTTATGGCTGAGGCTCTGTCTACCATT
TATTATTTAGAATTGGTTTTTATGAAATTGGTGTGGGAGAGAGTTGAATTGAATAAGTGAATATAGCACTGC
TTTTACCAGATAATTGGTGCTGGTTGGTCTTGACCATGTCCTGGTAGTTAGTGAAAATATGTATATTGTGCT
CTCAGGTGAACTTTGTTTTCAAGGCATCTGAAAATGAATGCATGTGTAGCACTTACGTCATTAGTTTTTAGCAA
TAGATGCTTTTGCTGTAAAATATTCATGTAGAAAATGGAAAATCATTGAATTTGAATTTGGCTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_57 AF059511|Arabidopsis thaliana 3-methylcrotonyl-CoA carboxylase nonbiotinylated
subunit (MCCB) gene, complete cds

AGGGAATTTTGCTCAGCTGTCCTTCTGATGGAGTTGATCGGAGCTCCGATACCTTCGCTCGCAATTCCGGTGC
TATGGACGGCTTCATTTCCGAGCTTCGTTCCACATTAACAAGGTTCTAGCTGGGGGCGGGCCTGAAGCCGTC
AAGAGAAATAAGAGTCGGAATAAACTACTTCCGAGAGAACGGATTGATCGTCTTCTTGATCCTGGCTCTTCT
TCCTCGAGCTTTCTCAGCTCGCAGGCCATGAACTGTATGATGAACCTTGCCGCTGCTGGGATAATCACTGG
GATAGGCCCTGTTGATGGACGACTATGTATGTTGTGGCCAATGATCCTACAGTGAAAGGAGGGACTTACTAT
CCCATCACTGTCAAGAAACATCTGAGGGCTCAGGAGATTGCTGCAAAATGCAACTTACCTGCATATATCTGG
TTGATAGTGGAGGGGCTTCTTCCAAAGCAAGCCGAGGTGTTTCTGATAGGGATAATTTTGAAGAATATT
TTATAACCAAGCTGTAATGTCTGCTCAAGGCCTTCTCAAATAGCTCTTGATTGGGTTCTTGCACTGCTGGGG
GTGCTTACATTCCTGCGATGGCAGATGAGAGTGTGATGGTCAAAGGAAATGGCACTATATTTCTTGCCGTTCC
ACCATTGGTGAAGGCTGCTACAGGTGAGGAAGTATCTGCAGAGAACTGGGGGGTGCCAGTGACATTGCAA
GACATCTGGAGTGTCTGACTATTTTGCTCAAGATGAAATGCATGCACTGGCTCTTGGGAGAAGCATCGTTAAG
AACTTGACATGGCTGGGAAAGAAGGTCTGATAAATGGACAGCAAAACATAAACCAAGGCTTCAAGGAGCCA

TTATATGACGTCAGGGAACCTTCGGTCTATTGCCCAACTGATCATAAGCAGTCTTTTGATATTCGCTCTGTCATA
GCTCGAATTGTCGATGGAAGTGAATTTGATGAATTCAAGAACTATATGGAACAACTCTAGTTACAGGATTTG
CCAGAATTTATGGTCAGCCTGTAGGAATTTATTGGAACAAGGGGATATTATTTAACGAATCTGCTTTAAAGG
GGGCACATTTTCATCGAGCTATGCACACAGCGAAATATTCCTTTGGTCTTTCTTCAGAATATCACTGGATTTATG
GTTGGCTCGAAATCTGAAGCAAATGGTATTGCAAAATCCGGGGCAAAAATGGTCATGGCGGTTTCTTGTGCG
AAGGTTCCAAAAGTTACTATCCTCGTTGGCGGAAGCTTTGGTGCTGGAAATTATGCAATGTGTGGGCGTGCAT
ATAGTCCCGATTTTTTTGTTCTTATGGCCAAATGCCGAATTTCTGTGATGGGTGGTGGCCAGGCTGCTGGTGTG
CTGAGTCAAATAGAAAAGAGCAATAAGAAGAAGCAAGGAATTCAGTGGGACAAAGAAGAGGAGGAAAGGT
TCAAGGCGAAGGTCATTGAGCCATATGAAAAGGAAGGAAGTTCTTATTATTCCACAGCTCGGTTATGGGATG
ATGGAATCATCGACCCAGCCGACCCGAAAAGATTATCGGTCTGTGCATCTCGGCTTCCAGAACCGTGCCCC
TGAAGATACGAAGTTTGGTGTATTTAGAATGTAAAATTGCATTATGCATCAGATATGTCTCTGTTATACATTAG
CAACAAGTATGTTTGGTGCTCATATTTGTTTAAATGTGTAAACATAGATGTTTTATGTACATGTTAGCTTTTCTC
ATGTGTAACACTCTTTGTTCTCTTACATTCAAATAT

>trans_s_58 NM_001051488|Oryza sativa Japonica Group Os01g0873700 (Os01g0873700)
mRNA, complete cds

TGTTACACTCTATTTTTCTTCTCTCTTTCGCCTGCAAAATTTGGAATTAGATGAAAATCTGCAGCAATCCA
TGACCACCTATGAGCCTTCAATCTCCCCAATGATAACCTGAAAGGTTTCCTTCTTGCTATGTTATCCAGCGCCT
TTATTGGCTCCAGCTTCATCATTAAGAAGGTAGGTCTTCGTGCGGCTGGTGCTCCGGGTCACGAGCGAGTTC
TGGAGGATATGGGTATCTATTAGAGCCCTTTGGTGGATCGGCATGATTACCATGATTGTTGGGGAATTTCC
AACTTTGTGGCTTATTTATGCTCCCGCCATTCTCGTGACGCCACTTGGAGCAATAAGTATAATTGTTAGTGCT
GTACTTGACATTTTTTCTTGAAGGAAAAATTGCAGAAAATGGGTGTATTGGGGTGTATTTTATGTGTTGCAG
GGTCTACAATGATCGTGCTCCATGCACCTGGTGAACGTACTCCGAGTTCAGTGGATGAGATATGGGAACTAGC
AATTCAACCAACTTTCTTCTCTATACAGCCTCAGTAATAGCTATTGTGTTGTTCTGGTGTGTTATTGCGAACC
CCGCTATGGACAGACAAACATACTCATTTACGTTGGGATATGTTCCATAATTGGATCCTTGACGGTAATGAGTA
TCAAAGCTATTGGCATTGCAATAAACTCACAATGGAGGGTTGGAGTCAAGTTGCTCACTTCCAAACATGGGT
CTTTTAAATGGTTGCAATCTCATGCATAATTATTCAGTTGAATTATTTAAATAAGGCTTTGGACACATTTGACAC
TGCTGTTGTTTCGCCAATTCATTATGCAATGGTCACATCTTTCACGATCTTGCCAGTGTGATAATGTTCAAGGA
TTGGTCTGGCCAGAGTGCTAGCAGTATTGCATCAGAACTCTGTGGATTTGTAACCATACTTTCTGGGACCGTG
GTCTTGATGATACAAGATCACCTGATCCTGCTTCTGTTTCAGAGATGTACATGTCTGTCTCTCCTCAAGTGTCG
TGGTATTTCCCCGCAAATGGCGACACCTGGAAACGGAATCTGAAGAAATACTATTGCCAGATTTTGATGCAA
TCCTCAAACAAGACCATTTTCACATGAAAGTGAAAGGTAATTTATGCACCTACTACTGCATCTCCACTGCACACC
AAACAGATGCAACCAATTTTGGGAGAAATCTGGATATATAGTTAATTTCTCACATTATTAATGAGTTATTTA
GTAGAGCGGTCACCACGGAGTTGTTTTCTTCTCCGCTTAGCTGCTTGAGATTGAAAGAACGGTAGGGCTTGT
GTGACGTAGTATGTTCTTTGTAACAATTCATTTTGTCTAAATAGGTAGCTGGAATTGAAACACAGCTTCATTC
CCCTTTCTTTTTCACCTTTAGGCCTCACACCTCCCTCTCGTAACATTATTTGTAAAGTAGAACAGAGCTTGTGG
ATGCAAAATGTAATCTGCTTTGTGTGATTCTTTTTTCACTCGTCCCTTAGCCAAGGTAATATGAGATATTTT
GTAGGTAAAGCTGACTTTTCGGCCAAGTTTGCCTGAATAGAACGTAATAAATCACTGATGATTTGTTTACATG
TTTCTGTAATCTATTACATAAGACACCCAATTTGATTATTGGTGAGAAGATGAATGTTGATTGGTTGTGCTTG
GAAATAACTAGAACTCGTTACCGTTAATGTTACATGATAGATATTGTTATTGTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_59 L31899|Cucumber phosphoenolpyruvate carboxykinase (pck) gene, complete cds

AAGAGTTGTTAAAGATGACACCACTGAAAAGGAGCTTTGGTGGGGCAAGGGATCACCTAATATTGAGATGGA
TGAACATACTTTCTTAATCAATAGAGAGAGAGCTGTGATTACCTGAACTCCCTTGATAAGGTATTTGTGAATG
ATCAGTTCTTGAAGTGGGACCCCGAAAACCGAATCAAAGTCCGAATTGTTTCAGCCCGAGCCTATCATTCCCTG
TTCATGCAAAACATGTGCATTCAACCAACTGCTGAAGAACTGGAGGACTTTGGGACTCCGGATTTTACAATAT
ACAATGCTGGGCAGTTTCCTTGTAACTGTTACACTCACTATATGACTTCTTCCACCAGTATAGATATGAATCTTG
ATAGGAAGGAAATGGTCATTCTTGGTACTCAATATGCTGGAGAAATGAAGAAAGGCCTCTTTAGTTTAATGCA
TTATCTTATGCCGAAGCGCCAGATTTTGTCTCTTCTTCTGTTGCAACATGGGCAAAAATGGAGACGTGGCCC
TTTTCTTTGGATTGTCAGGTACTGGGAAGACCACGTTGTCTACAGATCATAATAGGTACTTAATAGGGGATGA
TGAACACTGCTGGAGTGATAATGGTGTATCGAACATTGAAGGCGGTTGCTATGCCAAATGCATCGACTTGTCG
AGGGAAAAGGAGCCTGACATTTGGAATGCTATCAAGTTCGGGACCGTTCTTGAGAATGTGGTGTGATGAG
CACACTAGAGAAGTTGATTACTCTGAAAAATCTGTTACAGAGAACTCGAGCGGCGTATCCATTGAATACA
TTCCGAATGCTAAAATCCCTGCGTTGGCCCTCATCCAAAGAATGTAATTCTTCTGCTTGTGATGCATTTGGA
GTTCTCCCACCAGTGAGCAAGCTGAGCTTGCCTCAGACTATGTACCATTTTCATCAGTGGATACACCGCTTTGGT
GGCTGGAAGTGAAGGATGGTGTGAAAGAGCCACAGGCAACATTCTCTGCTTGTGTTTGGAGCAGCATTTCATAAT
GTTGCATCCATCCAGATACGCAGCCATGCTAGCTGAGAAGATGAAAAACACGGTGCCACGGGATGGCTCGT
AAACACCGGTTGGTCAGGAGGAAGCTATGGAAGTGGTAACAGGATCAAGTTAGCCTACACAAGGAAGATTAT
CGACGCAATCCACTCAGGAGCGCTTTTGAAGCAAATACTCCAAGACTCGAGTGTTTGGCCTTGAGATTCTT
GATGCTATTGAGGGAGTTCTTACATATCTTGGATCCAATAAACACGTGGTCAGACAAAGATGCCTATCAGG
AGACATTGCTAAAGTTGGGTGGTCTGTTTAAAGAAGAACTATGAAGGGATCCATACTTACCAAGTGGAGAGGG
ACAGTAAATTGGCTGAGGAGATACTTGCAGCTGGGCCCACTTTGTAATAAATTGGTAAAATGGAGGAGCATT
CATGGATTTGGATAAAGAATGATATCATAAAATGACTGGCGTTGGTTGTAGCTTACAAATGAATGTGTGAAAG
CTTCAAAGTTGAGAGTTTTTCCGGATAAATAAGATATTGCATAGTTTCATAGATATTTTCTGTGATTTATGTTG
TAAAATCATAAGGTTTATATTTGTTATTTGTGTTTTAAGGCCTGAACTATTGTATGGTCTTTTAAATTGTAATT
TATAGCAGAACTGCTGATGAAATGTAATAGATTCAAATCTACACATGAATAATATGTCACGTTGACTTTCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_60 XM_002311056|Populus trichocarpa aquaporin, MIP family, PIP subfamily, mRNA

CTCAAGAATGGCCAATTCAAACGAATAAATCTGCGAGAATTGAAGCCTTGAACAATGAATCAAACAGAAAAAT
CCCCATTTGAGCATCAGAAAATCATCAACATCTCCGTTCTGTGAACTTTCTCTGTTAGCAATGATATCTTCAA
TCACCATCGTTATATCTTTGTAAGACGATCCTCCTTCTCCATAGCTCTCTTGGCATTCTGCAAGTTTCTTGCTT
CTCTCTCATCTCTTCTCTTCTCTTCTTCCAACACCAATTTCTATGGCTTCTTTCACCTTCTCTCTTCACT
ACCACTTTCCCACTCCCAATATTTCTCATCCCCAAATTTCTCCACACCCAACAACTCCAAATCCACAACAATGGGG
AAAGACGTTGAAGTTGCTGAGCAAGGTGAATCCAAAGCAAAGACTACCAAGACCCACCTCCCGCCCCCTCTCA
TCGATCCCGAAGAGCTCACTAAATGGTCTCTTTACAGAGCCGCCATCGCCGAGTTTCATCGCCACTCTCTCTTC
CTTTACGTCACCGTTTTGACCGTTATCGGTTACTCCACAGAGGGACTCTACCCCGACCCCTGTAGCGGTGT
TGGCATTCTCGGTATCGCTTGGGCCTTCGGTGGTATGATCTTTATCCTTGTGTTACTGCACCGCCGGTATCTCCG
GTGGCCACATTAACCTGCTGTCACTTTCGGCCTTTTCTGGCTCGTAAAGTCTCTCTGGTTCGTGCTGTATTGT
ACATGCTTGCTCAATGTGCCGGTGTCTATTGCGGCTGTGGCTTGGTTAAAGCCTTCCAATCTGCTTATTATGTT
AGATATAACGGTGGTGCTAACATGCTTAGTGATGGTTACAACAAAGGAACTGGGTTGGGTGCTGAAATTATT
GGGACTTTTGTCTAGTTTACACTGTTTTCTGTCTACTGATCCCAAGAGAAACGCCAGAGATTCTCACGTTCTT
GTTTTGGCTCCTCTCCAATTGGGTTTGTGTGTTTATGGTTCACTTGGCTACAATCCCCATTACCGGAACTGGA
ATTAACCTGCTAGAAGTTTCGGAGCTGCTGTCAATTTCAACAAAGAGAAAGCCTGGGATGATCAATGGATCT
TCTGGGTTGGACCATTCATTGGAGCTGCAATTGCTGCAATTTACCATCAGTATGTGCTCAGAGCTGGCGCCATT
AAAGCTCTTGGATCTTTCAGGAGCAACGCTTGAAAATCCTTCAATGGAAATATATTTAATTGGTTTCTCTCAGA
TTGTGTTTTGTTTTTGTGTTTTTGTGTTTTGGGGTTCTCCTTTTTCTCTTCTCAATAGACTTTCGATGGTTGAA

TCGGAAGTCAATTCTTGCGGCTGCTCTGCTCTCGTCTGCTTTGGTCCGTCGTGGAATTAAGTTCTACAAGAAGT
TTTAATTGTTGGCCCTGGAAATTGTACATATTTCCATTTCTCTCCCCTAAAAGAAGAAAAAGAGAAAAAAAAG
AAAGAAAAAGAAATTGGGGCTCATTCTCATCCTATGTATTCATGTATTTTCTTTTGTGTTTCATCCTTATCCTT
TGTTTTTTATTTAATAAAAGAATCTCCTCTATTATGATGTCCAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_61 AY058848|Arabidopsis thaliana AT5g14040/MUA22_4 mRNA, complete cds

CTCCGTTACCATTACAGAGAAAATCAAAGAAATTTGGCGTTGAGAGATTGGGAGAGAGGTTTCTCTTTCTAGG
GTTGCTTCTTCTTCTTCATCCTCCATTGTTGCAATTTCACTTCCTTCTCCTCTTGTTCATCTCCCATGGCGCTC
TCTGATAAACCTCTCGCCAATCTCTGATCCCCAGCTTCCTTTACTCTTCCCCTTCTTCCACTCGAACTTTCCTCT
CATGAAGATGCTTCAGTCTTCACCCACTCTCGATTGCGTTTCCTCTCCTTCTCCTAAGACCTTTGTTATCCCTCC
CCCACTGAGCCCTCTAAGAAGATCGAGATGTACTCTCCAGCCTTTTACACTGCTTGTACTTTTGGTGGAATTCTC
AGCTGTGGTCTTACTCATATGGCTGTTACTCCTCTTGATTTGGTTAAATGTAATATGCAGATTGATCCTGCGAA
ATACAAAAGTATTTTCATCTGGTTTTGGAGTTTTGCTCAAGGAGCAGGGTGTGAGGGGTTTCTCAGGGGCTGG
GTGCCTACCTTCTTGGGTACAGTGCACAGGGTGTGCAAGTTTGGATTCTACGAGTTCTTTAAGAAGTATTA
CTCTGATATTGCTGGACCTGAGTACGCTGCTAAGTACAAGACCTTGATCTACCTTGCCGGTTCTGCATCTGCTG
AGGTGATTGCTGATATTGCACTTTGCCCTTTTGAAGCAGTGAAGGTTCTGTGTTCAAACCTCAGCCTGGTTTTGCT
AGAGGTCTAGCTGATGGACTTCCCAAGTTCGTCAGATCTGAAGGAACTCTGGGTTGTACAAGGGTATTGTTT
CACTCTGGGGACGACAGATTCCATACACGATGATGAAGTTTGCATCCTTTGAGACAATAGTTGAGATGCTATA
CAAGTATGCCATTCCCACACCAAAGGACCAGTGCAGCAAATCTCTCCAGCTTGGTGTTAGTTTTGCTGGTGGAT
ATGTGGCTGGTGTCTGTGCTATCGTGTCTCATCCTGCCGATAATCTTGTGTCGTTCTCAACAACGCCAAA
GGAGCCACTGTTGGTGATGCTGTCAAGAAGCTCGGATTATGGGGTCTTTACCCGTGGGCTACCTCTCCGTA
TTGTGATGATTGGAACCTTACTGGTGCTCAATGGGGTATCTATGATGCCTTCAAAGTATTTGTTGGACTGCCT
ACCACCGGTGGCCCGCGCCTGCTGCTGCCCTGCACCTGCTGCAGCTGAGCTTGCAAAGGCGTGAGGTTGA
TGCATGATAGACCAACAGGAGTTTTGTTGTTTTTCGCGAGTTGAGGAGAAACCTCTTCATAGGAAATTGAATA
AACATAACCATTTAGCGATGCTGCTTACAGTCTCAAAGCCTGAAGAATATCTTTATAGAATGGATGGACCCTT
TTCCATTGGTTTTTTGTTTCCCGTTTATTACTCGGCATTCAATTGAATTTGTTAAGCCAAGGATGGTTTTGATCTC
ATCCTTGTGCTAGCTTTTGGATACTCGGCATTATCCTTGCTAGCTTTTGTAGTAGTTAAGAATTCAGATAGAG
AATTGCAGTTTAATGGTTTTAAAAACCATGTCAGGAACAACTTGTTGTACCACCCATGTCAGCAACAACTTT
CGCCAAATAAACTGAC

>trans_s_62 DQ004685|Hevea brasiliensis 12-oxophytodienoate reductase (opr) mRNA,
complete cds

ACTCGGACCCACCAACCCCCACCCAATCCAACGGTGAATGCTCCTTCACAGACCTGCCTAACTCTACTCCCGGA
TGAACCCGATCCTTTTCCCCCTCCCTTCGCCGACCAATCGCATCAAGCGTTTCATTTCCACTTACAAATTCCTTC
ATCATAATTTCCCCCATTCTATAAATGCGGAATCTCCAATAATAACAATATCTGATCGGAACCTATCGAAA
ATGGCTGAATCTCCCGCTGGAAATGGAAGCGCTACACTATTCTCTCCCTTCAGGATGGGCAAGTTTCGATCTCTC
TCACAGAGTGGTTCTGGCGCCGATGACGAGATGTAGAGCTTTGGATGGAATTCGGGGGCGAGCGCTGGCCG
AGTATTACTCTCAGAGGTCCACCGACGGAGGATTTCTGATCAGCGAAGGAACTTCCATCTCCGCCACTGCTGC
TGGATTTCCACATGTTCTGGAATTTACACTGACGAACAAGTGAAGCATGGAAACCAGTGGTGGATGCTGTT
CATGCCAAAGGCAGCATTATTTTCTGTCAACTCTGGCATGTTGGCCGTGCTTCACACCAAGTTTATCAACCTGG
TGGGATGCCACCAATTCATCCACAAGCAAGCCCATATCGAAGAGGTGGAGAATCTTGCTTCAGATGGCTCT
TATGGCACATATCCAAGCCACGGGCACTTGGAACCTACGAGATCGAGGCCGTGGTTCGAGCACTATCGACAC
GCTGCATTGAATACCATTCGAGCAGGCTTTGATGGGATTGAGATCCATTCGGCCCATGGCTACCTCCTTGACCA

ATTCTTAAAAGATGGTATAAATGATAGAACCGGCGGATACGGTGGATCTCTCACGAACCGGTCTCGGTTCTTA
TTGAAGGTAGTTCAAGCAGTGGTTTCTGCCATCGGATCATATCGTGTTGGCGTTAGAATTCGCCTGCCATTGA
TCACCTCGACGCAATGGATTCCAATCCTCTCAAGCTTGGACTACACGTCGTGGATCAACTCAACAACTCCAAC
AACAAGTTGGTGGAAAGCTGAGTTATCTCCATGTAACCTCAGCCAAGGTACACAGCCTATGGCCAAACCGAGTC
AGGCAGGCCGGGAAGTGAAGACGAGGAAGCTGAGTTTATGAGGACATTGAGAAGAGCTTATGAAGGAACAT
TCATTTGCAGCGGCGGGTTCCTCGGGAAGTGAAGCGATCGAGAATGGAGATGCCGACTTAGTGT
CGTATGGTCGCTTTTTCATTGCCAACCTGACTTGGCTTTGAGATTTAAGTTCAATGCACCACTGAACAAGTAC
GTTAGGAAGACTTTCTATACACAAGATCCTGTGGTTGGCTACACAGATTACCTTTTCTTGAAAGTGCAAGTG
TGAAAATAGGGCTCTTCTCGGCTTTGATGGGACTCTTTGAGTATAACATTATTGCTTATTGTAACTTTTTGT
TGGGTAATGCCTAATTGCATATATAGTCATAATAAGTATTTGTTTTGCTAATTATGTAAAATAATTCTCTATT
TTAATGTCATAAGAAAATAGATTTATCATGTATGGAAGTGTTGCTAGCTACTTAAAATGGATAAAAAGATTAG
TCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_63 NM_001068895 | *Oryza sativa* Japonica Group Os08g0536000 (Os08g0536000)
mRNA, complete cds

TCTGATCGGATCCACCTCTTTGCAGCGATCTAACTCCATAAACGCCGGTCAGAGCAATCTTTTGTTTCGAGAAAA
AAATGTGGGGAATCGTTTCGGCAAAAAGTCGGCGCAGGAGCCTCCTCTATTCCGGCTTTGCAAAGGCTTCGTCC
AGCCGCCTCGGCACCGAGATACTATTTCATCTGCCGCAAAAGAGATGACCGTGAGAGATGCTCTGAACTCTGCA
CTTGATGAAGAAATGTCTGCTGATCCTAAAGTTTTTTAATGGGAGAAGAGGTTGGAGAATATCAGGGTGCTT
ATAAGATAACCAAAGGGCTTTTGGAGAAATATGGTCCTGAGAGGGTTCTTGATACCCCAATCACAGAGGCCG
GGTTTACTGGTATTGGCGTTGGCGCTGCTTACCATGGTCTGAAGCCTGTTGTGGAGTTTATGACATTTAATTTT
TCCATGCAGGCCATTGATCATATTATTAATTCTGCAGCAAAAACAAATTATATGTCAGCTGGCCAAATTTCTGT
ACCAATTGTCTTTAGAGGGCCTAATGGTGCAGCTGCTGGAGTTGGTGCCAGCACTCCAGTGCTATGCAGCA
TGGTACGGGTCCTGCCCTGGCTTGAAAGTTTTGGCCCCATATTCATCTGAAGATGCACGTGGGCTTTTAAAG
CTGCTATAAGGGATCCAGATCCTGTGGTGTCTTGAATGAGTTATTATATGGTGAATCATTCCCTGTTTCC
GCAGAGGTCCTTGATTCCAGTTTCACCGCTCCTATTGGAAAAGCTAAGATTGAAAAGAGAAGGGAAGGATGTG
ACTATTACTGCTTTCTCGAAAATGGTGGGCTATGCACTTAAGGCAGCTGAAGTACTTTCCAAAGAAGGAATTA
GTGCCGAGGTCATTAACCTGCGCTCTATTCGGCCACTAGACAGAGCCACGATTAATGCTTCAGTTAGGAAGAC
CAATAGATTAGTAACAGTTGAAGAAGGGTTTCTCAGCATGGGGTTGGAGCTGAGATCTGCACATCTGTTGTA
GAGGAAAGTTTTGGCTATCTTGACGCGCCAGTGGAGAGGATCGCTGGGGCTGACATTCCTATGCCTTATGCA
GCCAATCTTGAAAGAATGGCTGTTTCTCAGGTTGAGGACATCGTTTCGAGCAGCAAAAAGAGCATGTTACAGA
GCCGTACCATTGGCCGCAACTGGTTAATTTGCCCTTCCAATCTGGAAAAGTTTTCCCATCTTAGGGTAAGATTT
AATGACTTATTCTGTCAATTTCTGTTTCTGTTCCCTCAATCAAGGAGAAATTTCACTCTCCCTTGTAATAAAAA
CCTTTTGATGTTTAAAAACTTCCCCCGCTTTCTTTAGCCAAAGACAATTACAACCATTTCTTTTAACGAGCA
AGTCCAATTGAAACTACAAGATAAGATACTTTTGTGACAAAGAAATATCTTTTCTTGCCAAAATCTTCACGGA
TGTAGGATAAGATCGGTGGTCCGTAGAATGATTTTGAGTTTTAGTGAATATATTTTGTGATACTTGTAGAATA
ATAATTGGCTTAGCAGATGCACTGTACTGGGGATGGAACCAAGTTGTTAAAAATTAAGTTGGGAGAATATATT
GACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_64 XM_002868112 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* At4g16144, mRNA

GTCGCGATTGTGAATTCGCCTCTCGAAAATTTACGGCCAAAGCCCTGAATCCTCTCCTACAAGACTGCAACCT
CATCATGTCGACATTCAAGTTCAGCTTGAACCTCAATTCTTCGGTCCCACATTGATTCTTCGCGCTTAAGCAAA
TTAAGCTGGTTTACGAGACACCGATTTCATACACGGGTTTCTACTGATTTTCTTCAGATTTATTGCTATTA
TTTCTCTCAATTGAAGATGAAGATCAACATCGATAGGGAGGCGCGAAAGTTGCCGTTGATAATCGAATTCC

CCTCCGAAATTACTTCCGGATCGCCGATAATCTCTTAAAAACAGGCTAATATCTATCGGGAAGAGAATAATGTTG
TGGATTTGTTCAATTATACTTCTTAGGTTTTCAAGCTTGGTTTCTGAACTATAACCACGGCATCGTGATTATCAAG
CTTTTTCCCAAAGGAGAAGATATACTATAAGAAGAACTACTGAATGTAGTGGATGAACTTGAGTCCCTGAA
GCCTGAATTTGATCGCCGAGTAAATGAACTGGAGAAAGTGTATGGACGACCTCGTCTTCTCTACCTGATGAG
CAGGGAAGTGTTTCAAACAGTTTGCGGCCCTTCTCTAAGGAACAGCCATATGCGAATGGAAATTATTCGTTAA
TGTTGGAGCAAAAGCAGCATGTGAATTCACGTCCCCAATCTTCATGGAGGTATAGTGATGACCGAGGCCAAG
TTTACAATCAAGTTCCTTAAGGCTTCAGAATAAGTTCTCAACAATGTCTCTTAATGTACCGCTTCCCAAACCCG
AACTTTTATCTAGACATTCTATTTTGGGACCCAGTGGTCTTCAGTGCCAATGGATGGGGCCAAGTACAGATAA
GATTCAATATCCAAGAAATCAGGACTTTACTCCTGAAGATTCAAGACTGAATCAAAGTGAACATTGTGATCTA
GTGGCACACAAAGATAGTGGTTCAGGCGGTGTTATGTCAATGATGGAGTCAGTGCTCTCACTAGATGATGGT
AGATGGCCTAATCCCGCAGACATGTCTACTCCTCCATTGATAACAGAAGTAATGGAGGATCCTTTCCCATTTGGT
CAAACAACCTTCTCCTCTCCGGTGCTTGCTAAGTTTCAGCAGGAGTATGCAACAATTCCCCCATCTAAAGTTG
CAGATCCAAGGCCTGGAGTGGCAAGGCAATCACAGGATGAGTCTGAATCGTTTCAACGTTTACACATTCCAGT
AAAAATGCTTGATGATTTCTTGAGATTGGCTCGGGAAAACACAAATAAGAACCTGGAACTTGTGGTGTTTAA
GCTGGCTCTCTGAAAAACAGGATTTTTTACGTATCTACGCTCATAATCCCAAACAAGAATCAACATCAGATTC
CTGTCAGACGTTGAACGAAGAGGAAATATTTGAAGTTCAAGACAGATTATCACTTTTCCCTCTTGTTGGATCC
ATACACACCCATCACAAACCTGTTTCATGTCGTCTGTGGATTGACACGCATTACTCGTACCAGATTATGCTAC
CAGAAGCAATTGCAATTGTCATGGCTCCAACCGATACGTNCAGTCCATATGGAATATTTTCATCTATCCGATCCA
GGCGGTGTATCAGTCATCCGAACT

>trans_s_65 XM_002877911|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata josephin family protein, mRNA

AATCTAATCTAGGGTTTATAATTTCTCTTCTTTCTCCTCCCCCTCTTCTCCTCCGACTATGGACGGAGCCTGC
AATGGCGGCATGTTGTATCACGAGGTTCAAGGAATCCAAGCTCTGCGCTGTGCATTGCGTCAACACCGTCTTAC
AAGGTCCTTTCTTCTCCGAATTCGATTTGGCTGCTCTCGCTTCCGATCTTGACCGCAAAGAGCGCCAGATGATG
CTTTCTGGTTCCACCACCGGTGATTTCTCTCCGAAGAGTCTCACAATGTCTCCTTAGACGGTGATTTACGCATC
CAGGTCTTACAAAAGGCTTTGGAGGTATGGGATCTCCAAGTCATTCTCTCAACTCACCAGTTGCTGAGCCTGC
GCAGATTGATCCTCAACTGGAGAATGCATTTATATGTCACTTGCAAGACCATTGGTTTTGTATTAGGAAAGTGA
ACGGGGAATGGTACAATTTTGATAGTTTATATGCAGCCCCTCAGCATCTTTCGAAGTTTTACCTTTACGCTTACT
TGGACTCTCTAAAGGGCTTTGGTTGGAGCATTTTTATTGTTAGGGGTAACCTCCCTAAGGATTTTCCCATCTCAT
CCTCTGAAGCATCCAACGGGTATGGTCAGTGGCTTTCTCCTGAGGATGCTGAGAGGATAACCAAATCGTGCAA
CTCCACCCAAGCCCCCTCTCCTCAAAGAGCAAACCTGGACAGAGCAGCAAGATACGTTTCTTTCATCTGGAG
AAACGGAAATGCTAATAGACATGGAGGATGAGGGATTTTGAAGGCTGCCATAGCTGCCAGCCTTCTGGACTC
CTCAGCAGTCATGGCAGCAGGAGTTGCTAACCTCCAAATGAACCTGTAGTTTCTCCACCCAAGCTGGCTCCC
CTCAGAATGTACCTGCTGTTTCTCTTGAACTGCCAACCCCAAGATGTACTCGCTGTTTCCCAAATGCCTCCA
TCCTCCAAGATGTTACTGCAGTCTCTACAAAAGCTGCCACTCTGCAAGATGTACCTGCAATTTAGCCAAAGCT
GCCTGCCCCCAAAATGTACCTAATGTTTCTCCTGAAGCTTCCACCTCCCAGGATGTACGTGCACTTCTCCCGAT
GCCGCTGATGCCCTCAAGATTACATGCAGTTTCCACCACCAAGCTGCCACCCCAATGATAAATCTGCAGT
CTGCACGGAAGTCGTCGTTTCATCAAATGAGTCTGAAAATGAATCTGTAGGCAATGCAGACACTGCCTTCTGT
GAAAGTGGATCTGCAGATAATACAGAATGTGCCATTTCCAGTCTCGAAAGAAAATTAGTCGTACGAACGAG
GGAGCTGCGTGAGGAAGAATACTTTCTGTCTGAATATGATTTTTGGTTCAAGACGGACAAGAACCGGATTGG
CTCATAAACAAGAATAAGAGAGTTTTGAGGAGAATGGGAACCCAGATCCTTATTGAAAGTTGAGGTTAGCTA
GTAGCAGTCGAATTCTCATGCTTTACAATGGTTCTGTGCAGTGTAATTTTTCACTTTTTTAATATTCAGATT
GATAATGTATAAACTTTTAAAAAATAAGCCGTCGCTCGGCCCGGATTGTCACAACTGTTTCGATCAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_66 NM_001074756|Oryza sativa Japonica Group Os11g0600700 (Os11g0600700)
mRNA, complete cds

ATATTAATTAACCAACCAACTATCTCTCTCTCTCTTCCATTTTGCATTCTTTTCTACTCCCAAACGCGCTTTCT
TTTTCTCTTCTCCACGTTTGTTTTCCCCCTTCTCCCTCAATTTCCATCTTCTCATTCTTCTATCATCATCTCTT
ATTCACCCACTCCTCCTTCTAGGGTTCCTTTCTTTCTTCATTTCTCCGCCTCCGTTGGGTTTTGTGGACAATGAG
CGATCACCTCGTCCTTTACGTTGATAATTTATCCCACCAGCTGCTCCACTTCAACCTTTATCCCACCCCTTCAT
CCTCTGCCCCGTGAGCCTTCTCCGACTCCCCTGCGCTACGCTGGTCTTCGTCTTCTACTGCAACTCCTCAC
GATCGGACGCTTGAGCCTGATGCTCCTAATGAGGATGACCCTCTGATTCTGGTGGCTGAGTGCCGTATTTGTC
AGGAAGAAGACAGTCTCAGTAATTTAGAACTCCCTGTGCGTGTAGTGGTAGTCTTAAGTACGCTCATAGAAA
ATGCGTTCAACATTGGTGCAATGAGAAAGGAGACATAAATTGTGAGATATGTCATCAGCCTTATCAACCTGGA
TATACTGCACCACCTCGTTCTGAAGAACTGCTATTGATATGGAGGGAAGATGGACAATCGCTGGTAACCCAT
TAGACCTGAGAGATACTCGGCTATCGACCATTGCAGAGGCAGAACGACATTTCTTGGAAGCTGAGTATGATG
ATTATGCTGCCTCAAATGACAGTGGAGCTGCATTTTGTGATCAGCTGCTCTTATTCTATTAGCCCTTCTCCTTC
TTCGGCATGCGTTGACCATAACAGATCCTGATGGTGTATGATGATGCATCTGCCCTTTTCTCTATTTTCATGCTTC
GTGCTGCTGGTTTTCTCTTACCCTGCTACATCATGGCCTGGGCCATTAGTATCTTGCAACGTCGGAGACAAAGA
CAGGAGGCAGCAGCATTGGCTGCAACACAAGTGGCGTTTGTACTACAACATGAACAGCATAGAAGTTTACAA
TTTGCAATTGCATCAACAGGAACGCCCTCACCCCTCAACCTCACGCTGCTGTTTGAACCTCAACCAATCATGTA
ATAATACTATAATTTCTTCTACTTGCACTCGTCATTTTTACCGTCATTGCCAAATCTGACCTGATTTTTTGCTGC
TGTAATCTGGGGATTATTTTCTGTCTTCCAAAACCAGGTACCCTCACTAACAACTTATGTCATTTCCATCTG
TTTTGCGGCCAATCTATCTTGTTTCATATTCTATTAAACCTATTCGGCTCTTTTAGGAGCTAAGCAGAAAACCTC
AGTGACTTGAATTATGTACATTTTGTTTAATATGAGAAACAAGGAAGATATTTACAAGGAAAAGTATGGGAT
TTCCTTATGTACCATTCTTTCCTTCAAAGAATTCATGTTTCTGTGCAATTTGGTGGAGATCTTATGACTTTGGG
TGTAAGATGTTACATCAGAAAGTAGTTTTAGAGTTTTCTTTTGTGCTTATTATTTCTAGAGTTTCAAAACATA
TTGCTGGTGAAATTATTAATAATGCATCAATATTATAATTGAAATGCAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_67 NM_001124949|Arabidopsis thaliana ASP1 (ASPARTATE AMINOTRANSFERASE 1); L-
aspartate:2-oxoglutarate aminotransferase (ASP1) mRNA, complete cds

ATTCGAGGATTTCTCCACTTGGGCCTAAATCACTCTCTTTTCGCGCTCTTCAAATCTCCTCTCCCTTCTTTCTC
GTCGGAATTTATAGAGGAACAGTGAAAGAGAGTTCTACCACTATACTGTTTACGTTCCATGGCGTTGCAAGC
TACGATTTCCAGGAAGGTTTTAAACCAGAAAAGCCTGAGATGCTTCGGAATCGGAGCTAGATCCATTTCTGTCT
TGGTGGAAGAGCGTAGAACGGCTCCCAAAGACCCGATTCTAGGCGTTACTGAAGCTTCTTGCCGATCCGA
GTCCTAACAAAGTCAATGTTGGAGTAGGTGCATATCGAGATGATAACGGAAGCCGGTGGTCTCTGAATGTG
TGAGGGAAGCTGAACGGAGGATTGCAGGAAATCTGAATATGGAGTATCTTCCAATGGGAGGGAGTATTAAG
ATGGTGGAAGAAACACTGAAGCTGGCTTATGGAGAGAATTCTGACTTGATCAAAGATAAGAGGATAGCAGCT
ATACAATCTCTCTGGAAGTGGAGCAAGTCGAATTTTGTGACTTTCAAAAACGTTTCTTCCCGAATCCCAA
ATTTATATACCTGTCCCGACATGGGCCAACCACCATAACATCTGGAGAGATGCACAAGTTCCTCAAAGGACAT
ATCATTATTATCATCCAGAGTCTAAGGGATTAGACTTTTCTGCACTCATGGATGACATTAAGAATGCTCCAAAT
GGTTCATTCTTTCTGCTTCACGCATGTGCTCATAATCTACTGGAGTGGATCCACGGAGGAACAATGGAGAG
AGATATCGTACCAGTTTAAGGTAAAAGGTCACTTTGCCTTTTTTGTGACTGGCATAACCAAGGTTTTGCTAGTGGT
GATCCCGAAAGAGATGCAAAGTCCATCAGGATCTTCTCGAGGATGGCCATCATATTGGAATTGCTCAATCAT
ATGCTAAAAATATGGGACTCTATGGCCAGAGAGTAGGATGTCCTAGTGTGGTCTGCGAAGATGAAAATCAAG
CAGTAGCTGTTAAAAGTCAGCTGCAGCAGCTTGCTCGACCGATGTACAGTAATCCACCTATTCACGGTGCCTT
GGTAGTTTCAATCATCCTTGGGGATCCAGGCTTGAAGAAGTTATGGCTGAAGGAAGTTAAGGTCATGGCAGA

TCGAATCATTGGTATGCGAACTGCTCTTCGAGAAAGCCTTGAAAAGTTGGGATCACCCTGTCATGGGAACAT
ATAACCAAACAGATTGGGATGTTCTGTTACAGTGGATTAACACCCGAACAGGTTGACCGTTTGACAAGTGAAT
ATCACATTTACATGACTAGAAATGGCCGCATAAGCATGGCAGGTGTGACAACCGGGAATGTATCATATCTGGC
AAACGCCATTCATGAGGTTACAAAATCTGTTTGAATGATGATTACGGCTTAGAAAATCCCTGTGCAAAAAATG
ATACACTACAGGGAGAGCCCCCTGGCGAATAAAAAAGGTACCTATTACTACAACCAATTTGAAGAGTTCCT
TCCATCTTCCCTTTTAGTTAAAATATAAATAGGGAAGGGGTCTTACCTCACAGATTAAACATTATTTTTGTCCTC
ATAAATAATGTTTCCTCCTTTATTATCTTTTT

>trans_s_68 XM_002892117|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata coproporphyrinogen III oxidase,
mRNA

AATTCAATTCCTTAAAGCTATGTCTTCCACCCCATTTTCTCTCCTTCTTCTCCCTCCCCTTCCCCTCTCGCTCCCTT
CTCATTCTCACAGAAGCCCTCTTTACCTCTCGATCACAACCATTTTGCCTCCCATTCCCTCAATTTCTACAAGAAC
AAGTCCCTTCTTTTCAGGAAAAATCTCAGAACAGCATCTTCCCCATCATGGCTGTTTCTATCGAGAAGGAAAC
CCCCATCGCCGAACGCCCTGATTCCTTCTTACTGCATACGACAAAGCCACTGGAGGAATCTTCCGGTTCTT
CTTCTGTTAGGCCTCGCTTCGAGAAGATGATTAGGGATGCTCAGGACAGTGTTTGCGACGCTATTGAGAAAGC
CGATGGTGGTGGTAAGTTTAAAGGAGGATGTTTGGTCTAGACCTGGTGGTGGTGGCGGTATCAGTAGGGTTCT
TCAAGATGGTGTCTGTTGGGAGAAGGCTGGCGTTAATGTCTCCGTTGTCTATGGAGTTATGCCTCCTGATGCT
TACAGAGCTGCCAAAGCTGCTGCTGCTCATCAGAAGCCTGGTGATATTCCATTCTTTGCCGCCGGGATTAGCTC
AGTTTTACATCCTAAGAACCCCTTTGCACCTACTTTGCATTCAACTATCGATATTCGAGACGGATGCTCCCAA
AGATGCCCCCGGTGCACCTAGGCAATGGTGGTTTGGTGGTGGGACTGATTTAACTCCTTCTACATCTTTGAG
GAAGACGTCAAGCATTTCCACTCGGAACAAAAAAGCCTGTGACAAATTTGATCCATCCTTCTATCCTCGATT
CAAAAAATGGTGCGATGATTACTTCTATATCAAGCACCGAGGGGAAAGGCGAGGTCTTGAGGAATATTTTT
CGACGATTTAAATGACTACGATCAAGAGATGCTTCTAGCATTTGCCACCGAGTGCGCAATTCTGTGATTCCCTG
CCTACATACCCATCATAGAGAGAAGAAAGGATACCCATTTACCGAACAGCACAAAGCATGGCAACAACCTTCG
CAGAGGCCGCTATGTGCAATTCACTTGGTTTACGATCGTGGTACTACATTTGGATTGAAAACAGGAGGTCGG
ATTGAAAGTATTTTGGTATCACTCCCTCTAACAGCGAGATGGGAATATGACCATAAACCTGAGGAGGGAAAGT
GAAGAATGGAAATTATTGGATGCGTGCATGAACCCAAGAGAATGGATCTAATATTTCCATTGCTTTGCAAAAG
TAAGTACTAAAGTTTAGGTTGAGATGAGCAATATGAGTTCCTGAAGAGGACTCCTAATGCGGCTTATTTGCC
ACTCCTCGTTCTATTCTTTCTTGATTTTGCTTGTGTATGTTGTTGGCTGTAGCTTTCATAATTCTGTAATTGAAA
TGTAGCACTTGCTGATAGCTTTGTTCTTTGTGTTTTAATAATTAATATCTAATTGTATTGTAAATTAAATGTA
TTATCCTTAGGAATGTCAGAAAATAGAATTTTCTATTTAGATTGAGTCTATCTTTGGGATTAAAGTAGACTG
AGGCTATGTTGTAAGTGAATGGGATAATAATATATAATTAGGATTTGCAATTATTCCAACAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_69 NM_112175|Arabidopsis thaliana VCS (VARICOSE); nucleotide binding / protein
homodimerization (VCS) mRNA, complete cds

GATGCAGATGACATTTTCAGTTCAGTCACTAAAGAAGGTAAAAGGCTGGAGGCAGCTCTTGGCCGGAGCAT
GGAGAAGGCATTGAAAGCGAATCATGATGCATTATGGGCTCGGATTCAGGAAGAAAGTGCTAAAAATGAGA
AATTGTTGCGAGAACTACACAAAAGTAACTAGTTTAGTTGCAAACTTTGTGAACAAGGACTTGCCTGCCTTT
TTAGAGAAAGCTATGAAGAAGGAAATGTCTGCCATTGGACCTGCTGTGGTTTCGCACAATAACACCAGCTATTG
AGAAAACAATTTCTTCTGCCATTACTGATTCCTTCCAGAGAGGAGTAGGTGATAAGGCAGTAAATCAACTAGA
GAAATCTGTTAGCTCAAAGCTTGAAGCTACGCTTGCTAGGCACATCCAAGCACAGTTTCAAACCTCTGGCAAA
CAAGCTCTGCAGGATGCACTAAAATCTAGTTTTGAAGCATCAGTGATTCCAGCCTTTGAAATGTCGTGCAAAA
CCATGTTTGAGCAAGTAGATTCTACCTTTCAGAAAGGATTGGTTGAACATTCAGCTGCAGCTCAACAACACTTC

>trans_s_70 XM_002871540|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutaredoxin family protein, mRNA

>trans_s_71 HM122528|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL12) mRNA,
complete cds

>trans_s_72 NM_112794|Arabidopsis thaliana SWIB complex BAF60b domain-containing protein (AT3G19080) mRNA, complete cds

[illegible]

CTTTCATAATTAATTGGACTAACCTTATCAATTCTTCTATACTTCCCTTAGCTTTCAAGGTAGCTGTTTAAGTTAC
GTTCTTAAAAAAGAACCAAAAGAAGAACAAAAAGAATGTCCCTCTTATTTGACTAACTACATTTTGTGTTGTA
ATTATCACTATTTTGCCAAAAAAGCGGCCGCTCCCTCCTCAAGAAAATTAAT
ACTACCGACCACGACGAGGG

>trans_s_73 BT020466|Arabidopsis thaliana At5g65140 gene, complete cds

TCCACCATAACTCTCTCTCTCATCTCTTCATCTGTTTTCTACCTCAACTCCCCATTTTCCCTTTCTCCAACCTCC
AATTCCAATTGGGTTTTCTTTCTTGAGCTTTTTTAAGTTCTCAATTTAAGGAAACTCTCCAATTTAATACAACA
AAGGAAAAACAGAGTATTGTAATTGTGTAATTGGATATGACGAACCAGAATGTGGTAGTTCCGATACTAAAT
CCGGCATCAATATGTCCATCACCGTTGCTGTTTCTAACTCCTCTATTTTCGCCACCACCGCTCAAAAACCCCCAC
CTGCTCCCGGCGGTGGTGGTGGTGGCGGTGGTTACATCTCCATTTCCCGTAAAAAATCCTTAAAGACCTTGA
TGTTAATGGCGGTTGGATTGAATCAATGAGAGCTTCTCTCCTACCCATGTTAAATCTCTCCCTTCACTCTCTGC
TTCCGATGACCACCACCAAAATTTCTGGATGCTTCATCATCCTTCTGCACTGGATATGTTTCGATCAGATAATTGA
AGCTTCTAAAGGGAAACAAATTGTTATGTTTTGGATTACGACGGAACCTTTCTCCGATTGTTGAAGACCCCG
ACAAAGCCTTCATGTCCGAAGCTATGAGGAAGACGGTGAAAAAGCTGGCTAGTTGTTTTCCGACCGCCATCGT
AAGTGGCAGATGCAGAGACAAGGTTTACGGATTACATAAGACTGGCGGAGCTTTACTACGCCGGCAGCCATGG
AATGGACATTAAAGGTCCAACGAAAAGCTCCAAAATCAAGAAAGCTGTTAATCAAGGTCTTCTTTCCAACCA
GCTAGTGAGTTTCTTCTATGATAGACGAGGTTTATCAACAGCTGGTAGAGAAAATGAAATCAACTCCAGGAG
CCAAAGTGGAGAACAAACAAATTTGTATCTCAGTGCAATTTTCGATGTGTTGATGAAAAGCAATGGAATGATTT
GGCCCAAGAGGTGAAATCAGTGTTAAAGAATACCCCATGCTCCGACTAACCCAAGGAAGAAAGGTATTGGA
AATCCGTCCGACTATCAAGTGGGACAAAGGCAAGGCACTCGAGTTTTTGTAGAATCACTAGGGTATGCAAAT
TGCTCCGACGTGTTCCCTATTTACATCGGAGATGATCGTACGGATGAAGATGCATTTAAGGTTCTAAGGGAAA
GAAATCAAGGCTTTGGGATTCTTGTGTCCAAATTCCTAAAGACACTCATGCTTCCTATTCTTTACGAGAACCTT
CCGAGGTTATGTACTTTTTACAACGTTTGGTGCAATGGAAACGACCATCTTTATTAAGAAGAAGACCTTGCA
GGTTTGAAATTAGTCGAAAGTGAGGGAAAGAATAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGACACCCTTTAAAGGA
AATGTTTTGTTTTAAGTGTGGGGTGAAGGGGAAATTCAGTGAATTATTGTTGTAATTTCTTTTTCTTAGGG
ACTATTAGTTTAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAGGAGAGGGGAAATAGGAAAAAAAAAAAAAAAAACACAA
AAGATTGTAACCTTTTCTTGCCCTGGGTGCCCTTCTACTACACATATCTGTAACTAAGTTGTTTCTTTTTCT
CTATAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_74 NM_001063214|Oryza sativa Japonica Group Os06g0129200 (Os06g0129200)
mRNA, complete cds

ATTGATTAAAAAAAACGAAATTTATATAAATAAATTGAGTTGATAGATAGAGTTCTCCGTCTCTCCAAAGAG
GGCACAAGCAGTTCTTATTTTGTCTTTGCATAATGAGATAATCCACAAAATCCATACACCCAACTACAAAT
TCTTCATTTCAATTCGTTTTCTTCTCTTCTTCATCCAAAGTCGACAAAAATTTCCAGAATTGGAAGAGTATTAG
AACGGTACTTTGAGGTCTGTAAATCAACAGCGCACAAATATGGATATTGCCCTGCCCTTGAAGGAGGGCAGA
GCTGAAGCATCCAGTTCCCGTAACTTAACATGGCTATAGTTGGCGCAACAAATGAGTGGAGAGGAAATAGC
CCCCAATCTTCTCAATCCATAAGATTGAAGTATACGTCAACCTTAATTTTCTTTGGATTGCTGTCTGAAAAT
GTTTCGACTGAGATTTTCATCTCTCAGCAAAAGGAATTTGGACTCATTGGGCCCTGCTTGATTGTCTATTCATGT
ACTTTAGCCCCATCCTGATTTGAACTGTCTTAGAAGTACATGGAGAGAGCGAATAGATCTTGAAGGCAGATT
CAGAAAAAAGGGTTGTTTACATCTGAAGCAATGTCCATACTTCTAGTATCAAATTTGCAGATTTAAGCCCCAC
AAAAAATGTTTTGTTTCAGCCCTCGGCTTTGCTTTGTCAATTAACAGCCCATCTGCCCCATTTGGAGATGAACT
TCGAAGATCTGCTCAGGAACAAGTTGAGTACATGTTAAGGGCAGACGCCGACACGTCATTGGTAATAAAGGA
CGATGAAGTAAATCCGTGTTGAAAACGGGACTTTTTAGAACTTGTAGTTCATTTGAGAGGGAGCTATCTTCC

CTTCTTTTGGAGCCTGACCTTGCATCTCAAGCCAACGAAGACAAAATTCTGAGGACATTATCTGATCTTGAATG
GATATGTTCTTTACTTCCTAAGATGAACTTAATGAAAGACTTCGTTTCCAACCTGGATCGAGATATCTGGGAACA
TTCTGAAGGTAATCGAGGACGAAAAGTTGAACTCCTTAATGTGGGGTTTAAAAGTTAAGCTGATTGAGATGA
CCAACAAAGCCTTGAAGCTGTTGGCTATGGCACCGTAATTCTTCTGCACCATACCGCTTGTCTCTACTTAAA
TTCTGGCTTCCATATATCAGGAAGATGAAGCCTCTACTGGATTGGAAGTGCATTGCAGAGACAGATTTTCGTTA
CAAGATGGACGAAGAACTGTGCATGAACATTGAGGGGGCAATTGTTTCTATGGTATTGGCATTGCCTTCAAAT
GATCAAGCAGGTGTCTTGGCAGAGTGGATGAAAGCTGAGGAAATACAATATCCTGATTTAACAGATGCTTTTG
AATTGTGGTGTTATAGGACCAAATCTGCAAAGCGGAGATTGATTGAAGGTTTGGACGGAGCTTGCTCTGACAA
TAGTGATGATGGTACAATCAGCTTTTAAATTCTACTGTTAACAATATCTCCGGTGGATTCAAATGCTTCTTATTC
ATTCGAGCATAGAAATTATATACATGTTCCATTAATAAAATTATCTTTCTGAACTTACAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_75 AJ240053|Solanum tuberosum mRNA for plastidic phosphoglucomutase

TCTGCTGTAATACGAAAGAGGCAGGCCAATGGAGGATTTATAATGAGTGCAAGCCACAATCCAGGTGGGCCT
GAATATGACTGGGGCATTAAAGTTTAATTATAGCAGTGGGCAGCCTGCACCTGAATCAATTACAGACAAAATAT
ATGGAAACACTCTTTCTATCTCTGAAATAAAATTTGCCGATATTCCTGATGTTGACCTCTCACGCCTTGGAGAA
ATCAAGTACGGGAACCTTCAGTGTTGAAGTTGTAATCCTGTTTCTGACTATTTGGAGCTGATGGAGAACGTAT
TTGATTTCCCACTCATAAGAAGTTTGCTTTCACGTTCAAATTTAGGTTTGTATTTGATGCCATGCATGCAGTAA
CTGGTGCTTATGCAAAACCAATTTTTGTGGACAAGTTAGGAGCGAGTCTGGACTCAATTTCTAATGGAATGCC
TCTAAAAAATTTTGGGCATGGACATCCAGATCCTAATCTTACATATGCTAAGGATTTGGTCAACATTTTGTTC
GTGAAGATGGACCTGATTTGCGTGCAGCTAGTGATGGAGATGGTGATAGAAACATGATATTGGGCAAAAATT
TTTTTGTACTCCTTCAGACTCTGTTGCAGTTATTGCAGCTAATGCACAGGAAGCAATTCCATATTTCAAGAATG
GTCCTAAGGGGTTAGCTCGTTCAATGCCAACAAGTGGAGCACTTGATCGTGTAGCTGACAAGCTCAATCTACC
ATTTTTCGAGGTTCTACTGTTTGGAAATCTTTGGTAACCTTATGGATGCAGGGAAATTGTGATATGCGGG
GAGGAGAGTTTTGGAACAGGTTCCGATCATATCCGTGAGAAGGATGGCATATGGGCTGTGCTGGCCTGGCTT
TCCATTATTGCATTCCGAAACAAAGACAAGAAAGTTGGGGAGAAGTTGATCTCAGTTTCAGATGTAGTGAGG
GAACACTGGGCTATTTATGGAAGGAACCTCTTTTCAAGATATGACTATGAAGAATGTGAGTCTGAAGGTGCTA
ATAAGATGATAAATCACCTCAGAGATCTCATCAGTAAGAGCAAGTCTGGTGACAAGTACGGAAGTTATGTCCT
CCAATTTGCAGATGACTTCTCGTATACCGACCCTGTTGATGGAAGTGTGGCATCAAAGCAAGGAGTCCGTTTT
GTTTTTTCAGATGGATCAAGGATAATATACCGTTTATCTGGAAGTGGCTCAGCAGGGGCTACTGTAAGAATAT
ACATTGAGCAGTTTGAACCGGTCATTTCTAAACATGATGTGGATGCCCAAATATCTCTAAAACCATTTGATAGAT
TTGGCACTATCATTGTCCAAGCTGGAGGAGTTCACTGGGAGGGAGAAACCTACAGTCATCACCTAAGCGGAC
AAGCTCATAGTCTATAGACTGGCCTAGATCCACTAGACGGAGGTCTGCTCTTTCAACCTTGCCCTGCCTTAGG
GTCATGCTTGCTTATATTTAAATTTAGTTGATTTTATTTAATTTTAGTCTGCAGAATAAATAGCTCACTCATGTA
AAATTTGACAGTTAACATCAACATCAGAAATAAATAATATTTTCCATTCTCATTATTTCACTTCCCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_76 AF106957|Nicotiana tabacum dual-specific kinase DSK1 (Dsk1) mRNA, complete cds

ATCTGTGGCCTCAAATCAAAAATGTGTCTATTGGATTTCTCAGAACCATAACATTTCGGAAGGAAAACTTTAT
CCAAGTCCAAAAGAAGATTCTTAGATTTGCATCAACTCCCAAGGTGCCATTAGTAATCCTACAAGTCTTGAG
AAGTGTAAGCTTTTGAAGATATGAGGCTCAACAGTCTGAGAGAAAAGACTACATTGTGGATTCAAATATCA
GGGATGCTGTCTCCTTGGGCAGAGCATCCTCTGCACCGCCTCCTCTGTGTTCAATATGTCAACACAAGGCTCCA
GCTTTTGGAAAACCTCCTAGACAGTTCTCACTCAAAGAGCTCGAAGAAGCAACTGACAGATTTTCAGATATGA
ACTTCTTGGCAGAAGGTGGTTTCGGAATTGTACATAGAGGAATCTTGAGAGATGGCCAAGTTGTAGCCGTGA

>trans_s_77 NM_114720|Arabidopsis thaliana phosphoesterase family protein (AT3G48610)
mRNA, complete cds

>trans_s_78 M59858|Cucumis sativus stearyl-acyl-carrier protein (stearyl-ACP) desaturase mRNA, complete cds

>trans_s_79 NM_127564|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L4 family protein (AT2G20060)
mRNA, complete cds

TCTCCCCTGTAAAGCTTTGCATATCCCCACTTACAGCAAGTGCAGCGCCGCTTCTTCCGGCCGCCGTCTCAGCT
GTTACTCCGGCCGCACACCGCACTCTCATCTTTGGACGAAATATCCGCCGCCCTCCCTCTACAATCTCTCGCCC
TTCGAGCTATCAGAGTTGCTTCTCTTTTTCTCTTTTTCTCGGAAACACAGTGTTTCGGAACCTTGCTATTGTTG
ACATTGCGCCGCCGACGTTTCATCTTTCAAATCCTCAAGATGACTAGGTAGCTGTCTGATTGTTGAAAACCACT
GCACCGATTGTTTTAGCGGTACCCCATTAATATGGCAATCTCAGTTTCGAGAAGGCTGTTGCACTCTATGGGGT
CCTTATCAACAATCTCAGTTTCGAGAAGGCTGTTGCGTTCCTATGGGGTCCTTATCAACATTTGGGCAATGTAAT
TCTTCATGTACTATGAGTCAGTCATTTTCTAATCCCCATGAAATTTCTGGCTGTGTTAGTGGGAGTAGCTCTACG
TTTGCAAGCTGTTCTACTCTTTTGAAGGCTGGAGCCTTCTTGCTTCCCGAGGGTTTTGCAGCTCAATTTTACT
CCTGAATCAAGCAATAATGCATTTCTTCTGAGTTACTGTCTGCTAAGCCGGTGGCATCAGAAGAGCGCAAGA
TAGGACTTTATCAGGACCTGATGATTCCTGTGACAACTTTCAAATGAAGACAAAGGCTTCATGCTCTTGGCT
GGAGATGTTTTTACGTACCAATCAGGAAGGACATCATTATCGGGTTGTTAGATGGCAGCTTGCAAAGAGGC
AGCAGGGAACACATTCGACAAAAACAATTAGTGAGGTTAGTGGAACAGGGAGAAAGCCATGGAAACAAAAA
GGTACTGGCAGAGCAAGGCATGGAACACTGCGTGGTCCCCAGTTCAGAGGTGGTGCACCTATGCATGGCCCC
AAACCACGAAGTCATGCTTTTAAGCTTAATAAGAAAGTTCGTCGCTTGGGTTTGATGATCGCTCTTTCAGCTCG
TGTTGCAGAAGGAAAGCTTTTGGTATTTGATAATTTGGATGTCACTACACATAAGACAAAGAACATCGTGAAA
TATGTCAATACAATGGAGAATACTAAAAAAGTACTACTGGTTGATGGTGGCCCCATAAATGAAAAGCTGAAGT
TGGCCACGCAAAACCTTCATTATGTCAACGTTTTGCCATCTATTGGTTTGAACGTTTACAGCATTCTTCTACAG
ATACTCTTGATGTCTCGTGATGCTGTAGAAAGAATTGTTACTCGGATGCACACTCCAATCAACCGCTGAAGC
CGCAGTGCATTTCTCCTGAATTATATGTTCAACTTCAGTTTTAGCTCAGATCAGCAATAACCTTTATTGATGTTT

CCCCCTTTTGTTCAGGAAGGGGTGAAAACCTGTTTATTGTTCCGTAAAATATTGATCACCTGGAGTTTG
AAATTTCACTTGTACTGATCGAAGACATCACATAGTAAGTTTTGAAGCTGTAGTTTGTGGTGGTTGAAAAAAC
AAAAAAAAACCATTCTTACTGCCAGATTGTCAAGTTCTGCAAATCTTCTTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_80 XM_002889511|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata inosine-uridine preferring
nucleoside hydrolase family protein, mRNA

ATAGAATTATGATTGACTTCCATTTCCCTGATTAGAAAAATCGTGGGAACCTTGCTTTTTGAAAGTTTGTGGTGA
TTAGAAAAATCGAGTGTCCAAGTTCCCATCCTCACTACCGAACTATTATTATGCATTACAAATTTCTCAAATCCCAT
TTGTTCTTTTCCAATTAATTAAGTTGCCTTTATCGATCGCCAAGATGTATTCCATTGCTTGATCTATTCTCTCTCT
TTCCATTGCCATTGGGTTCTCCTCGATTTTTCATGTCCCTTTAATTTGTTTTACATCCATGGCCGATTGCGCCAA
GAAGATTATCATCGACACCGACCCTGGCATCGATGATGCTATGGCGATTTTTCTGGCTTTACAATCGCCAGAGT
TAGAGGTGCTTGGATTAACGACTATTTTTGGGAATGTTTATACTACTCTTCTACAAAAAATGCGTTGCATCTG
TTGGAAATTGCTGGTCGGACTGACATCCCAGTGGCTGAAGGATCGCACGTCAATAACTAATGGTACAAAG
CTTCGTGTTGCTGATTTTGTTCATGGGAACGATGGACTTGGAAACCAAAATTTCCACCTCCAAATGGGAAGCC
AATAGACCAAGCAGCGGCTGTTTTCTTGTTGAGCAGGCAAATCTTACCCTGGAGAAGTAACACTTGTGGCA
CTAGGACCACTTACAAATATTGCACTGGCCTTGCACTTAGATTCTGGATTTGCAAAGAAAATTGGAAAGATTA
TTATTCTTGGCGGCGCGTTCTTTGTCAATGGAAATGTAAATCCTGCTGCAGAAGCCAATATATTTGGGGATCCA
GAAGCTGCAGATATGGTATTCATAAGTGGGGCTGACGTGATAGTCGTGGGGCTAAATGTTACACATCAAGTT
GTCTTGACAGAGGCTGATCGCGACAAATTGGCACGTTCAAGGCGGGAAATTCGCCAAGTATCTCTGCCAAATTA
TGGACATTTATTTCTTATCACAAGGATTCATACGAGATAAAAGGAGTTTACCTCCATGATCCAGCAACTTTG
ATTGCGGCTGTCGATCCCTCACTTTTCACATACACCGAAGGAGTAGTTCGAGTCCAAACGACGGGCATCTCAA
GAGGACTCACTATTTTGTACAACAAGCAAAAAAGGTTTGGTGAAGTGAGTGAATGGTGTGATAAGCCAATG
TGAAGGTGGCAATCACAGTCGATGCTCCGGCTGTTGTTAACTGGTAATGGACCGATTAATCGACTCCTAGAA
AACACAAGAGTTACCAGTTAGAGATTACATATTCAGGAATGTAAAATTGTATCATTGAGTTTTCACTTTCATT
GTCAATGCAATAATGAAAGCTCTCACAGTACAAAGGCCGTGCACTATGAATTAAATAAATTGTACGTCGAAG
TTGGCTGATCAACTTCTTCTCATGTAATTTGATATTGAGTTTTACATTAATCTTTAAGAACTTAGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATCAAACCCCCCACCCCGG
GGGGGGGCC

>trans_s_81 AY150041|Lycopersicon esculentum type 5 serine/threonine phosphatase 55 kDa
isoform mRNA, complete cds; alternatively spliced

AGGCGTTCAGTAGCAGATTCCATTGATTTCCATCTGATAGATGTTGAGCCCCAGTATACTGGTGCTAAGATAG
AAGGAGACGTTGTCACACTTGATTTTGTGAAGAAGATGATTGACGACTTTAAAAATCAGAAAAGCCTGCACAA
ACGATATGCATTCCAAATTGTTTTGCAAGTGAGAGAAATCATGCGTGCCCTTCCATCTCTTGTTGATTAATAT
TCCAGAGGGCAGACATTTAACCGTTTGTGGAGATGTGCATGGCCAGTTCTATGATCTCTTAAATATCTTTGAGC
TTAACGGGCTTCCATCAGACGAAAATCCATACCTCTTTAATGGAGACTTTGTGGATAGGGGTTCATTTTCTGTG
GAGGTCATTCTCACCTTGTTGCATTCAAGTGCATGTCTCCATCAGCGATGCATTTGTCCAGGGGAAATCATGA
GAGCAAGAGCATGAATAAGATTTATGGCTTTGAGGGTGAAGTTCGGTCTAAGTTAAACGAAACATTTGTGGA
ACTATTTGCAGAAAGTATTTTGTCTTACCTCTTGCTTATGTTCTTAATGAGAAGGTTTTTGTGCTCACGGAGG
TCTTTTAGTGTGCGATGGGGTAAACTCTCTGATATTAGAGCGATAGATCGGTTTTGCGAACCTCCTGAAGAA
GGATTGATGTGCGAAATCCTGTGGAGTGATCCACAACCAATCCTGGAAGAGGACCTAGTAAACGAGGTGTA
GGTCTTGCCTTTGGTGCAGATGTCACAAAAAGATTTTGCAGGAGAATAACTTGATTAAATTGTGCGATCCCA

TGAAGTCAAGGATGAAGGGTATGAGATCGAGCATGATGGTAAACTCATTACAGTATTTTCTGCTCCCAATTAT
TGTGACCAGATGGGAAATAAAGGAGCTTTTATCCCTTTGAAGCACCAGATATGAAGCCCAACATTGTAACCTT
CTCAGCGGTGCCACATCTGATGTGAAACCAATGGCATATGCCAACAAATTCCTTCGGATGTTCCAATAGCTGC
ACAAAAGATATCCATGTTGAACCAGTTTCAGCTTGCTTAACATGATGAAGTTCGATTTGGCTTCATGTTTTGCC
ATAATGAAGCTTCCGTTGTAATTGTTTGAGGATGGTGCTTCTTCCAACGGTTTCAAACAGTTTAGATGGATAT
TATCCGCAAGTGTTCAAATCAAGTATTGATGCATAGTTTTCTCAGTTTACATTTGTTTGATACGCCACTCCATA
TTGTTTACAAAGGACGAAAAGAAAACCTTTTTTACCATGAACTACCCACCCTATGTTCTTCACTGTCCATTTTTTC
CCTCAGTTGGAGCAACATTCACAATCCCCAAGGATTTGAACTTTCCTTATTGTTGGAGCAACAAAATTCTATTT
GTACTTAATGGTGATATGGGCTTCCTTTTTGCCGAGCCTGAAATCATGTCAAGTAGGTTGGAAAAAAAAAAAA
TTGGACAGAAATTTATCAAGAAAACAGAGAGATTCTCTTTCATCTGGTTCGATTCAATCCTTTTCAATTTCAATA
TCAGAACCCAAAATTTCAAATAAGAAAACCTGGCTGTGGCAATGAAGCCATTGGCGTGAAGCAGAGAGAGGTG
GAGCTG

>trans_s_82 XM_002865572|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acetoacetyl-CoA thiolase 2, embryo
defective 1276 (ACAT2), mRNA

ATTCAACATTTTTTCATTACCATTTTCAATTTTTCTCTTAACTCTCTCTTCCAATTCATCCATCCAGATCGATCAC
AGCACCCCTTTTTCTCCACCTTGTAGACAGTGAAGAGATTTTCATTTTTGGCATACCATGGCTCCAGCAGCAGC
AGCAGCAGAATCGATAAATCCAAGAGATGTTTGCAATTGTTGGTGTGACGGACACCAATGGGTGGATTTCTT
GGTACTTTATCATCTTTATCAGCCACCAAGTTGGGATCTATAGCTATTGAAGCTGCACTTAAAAGGGCAAAAGT
TGATCCTGCACTTGACAAGAAGTCATCTTTGGCAATGTTCTGAGCGCAAATTTGGGCCAGGCTCCTGCCAGA
CAAGCTGCATTAGGTGCAGGAATACCTAATTCAGTGATCTGTACTACTGTCAACAAAGTTTGTGCATCAGGGA
TGAAAGCGACAATGCTAGCAGCACAGAGTATCCAGTTAGGCCTTAACGATGTTGTAGTTTCTGGTGGGATGG
AAAGCATGTCCAATGTACCAAAGTACCTGGCAGAAGCAAGGAAGGGGTCTCGTCTAGGACATGATTCTCTTGT
TGATGGAATGCTGAAAGATGGTTTATGGGACGTGTATTCAAACCTCTGGCATGGGAACCTTGTGCAGAGTTATGT
GCAGAGAAATATCAAATTACAAGGGAGGCCCAGGATGACTACGCTGTTTCAAGCTTTGAGCGTGGTATTGCT
GCCAAGGATAGCAATGCCTTTGAATGGGAAATTGTTCCGGTTGAAGTTTCCGGAGGAAGGGGAAAACCATCG
ACTATAGTCAATTCGGACGAGGGTCTTGGAAGTTTGACCTGCCAAGTTGAGGAAGCGACGACCGAGTTGT
AAGGATAATGGAGGTACCGTAACGGCAGGCAATGCTTCCAGCATAAGCGATGGTGCTGCCGCCATAGTTCTA
GTGAGCGGGAAGAAGGCACTGGAACCTTGGGCTAGAAGTGATTGGAAAAATTAAAGGATATGCTGATGCTGC
TCATGAGCCAGAATTTTTCAAACTGCACCGGCCCTTGCAAGTTCCAAAGGCCATTTCCCATGCTGGCCTAGAAG
CTTCACAAATTGACTTCTACGAAATAAATGAAGCATTCGCTGTTGTGGCTCTTGCCAATCAGAAATTACTTGGA
ATCTCTCTGATAAAGTGAACGTGCACGGTGGAGCCGTGTCTCTGGGGCATCCTCTAGGTTGCAGCGGGGCTC
GTATCTTGGTCACACTTTTGGGGTACTAAAGCAAAAGGGTGGGAAATATGGAGTTGGAGGTGTTTGCAATG
GTGGAGGTGGTGCATCTGCTCTTGTGTTGGAGCTTGTGTGAAGCCTGTTCAAGTCACAAAGCGTCGATAAGAT
AAGGTGTTGGATCATATGGGTTGGTAGTAACTTGTTATCCTTCCTATTTACCCTTTCAAATGATGATAGCTTTAG
CCTTTAGGGATCTGGAAGTAGAGCCTTTTGTGACAAAAGCTTAAAGTGAAGCTGAGGCAATCAAAATGTG
TTTGTGTTTTCTTCTGTTATCAGAATAATATTGAATTTTTATCCATAAAGTTTCTTCCAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_83 AL161593|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 89

TTTACAAATTACAAATACATTATTCATTCTCAGACTTACCTTCGCCGATTCTCTCTTCTCCCTTTCTAAATTCTCCG
ATTCCCTTCTGCTCCGGCGAGGCTGGGGCTGAGGAAACCGGAGACTTTCTTGAATTCATCTGAATTACAAAC
AGTTATTGAAGCTTTCTTTCTAGGATTTAATGGCGTTCGCTTCTTCTAGCAGTGTTATTTGTCAGAACAGAGCC
TTGTCGTCCTCCGTCGTTTCTTCTCCTGCCCTTTTTCATCATCGCTGCTTCTCACGTCTTCAATCGCAGCGTATTCT

TCACTGTAATCGTCGTTCTGCTCTTCAAACATCGGTATAAACGCCTCTCCGGGGGCCTCTTCTGTCGTCGCTAAAA
CTGCTCTTTCAGATGCTCATGTTCAAAGTTACAGCTCCTGTCTGCTCCTGCCCTGGTTGGTCTGATTTTGCTC
AAAACGTCTCTGGCGAGTGGGATGGATATGGTGCGGATTTTCTTCTGAAGGAACGCCAATTGAGCTTCCGGA
ATCCGTTGTACCTGATGCTTATAGAGAATGGGAGGTTAAGGTTTTCGATTGGCAAACACAATGCCCACTCTT
GCAGAACCTGAGCAGCCCTCTCTCATGTACAAGACAATAAAGCTACTTCCTACGGTGGGATGTGAAGCCGATG
CTGCAACCCGTTACAGCATTGATGAGAGAAATATTGGAGATGGAATTGGGGGAAATGGTGAAGTGAAGTGCCT
TTGGATATCAACGTAGTGGATGTTATGTAGTTGTCTGGCCAATTGAGGTTGGAGGTTCTTGTAAAGTTAATGGA
GTTGGAGCATTGCCTGGTTAATCCTCAAGATCGTGAATCTCGCGTGAGGGTTGTTGAGGTTGTTGAGTTGAA
GGTTCACGGCTAGTCTTGCAGAATATCAAAGTTTTCTGTGAGCAGTGGTATGGACCATTGAGAAATGGAGAAC
AATTGGTGGATGTGCCATCAATGACTCAGCGTTTGCTTCTACGGCCGCCTGAAAGCTTCTGAGGTGGTTGG
GAAATGGCAGGGTCTGTCTCTGTTGCCCGCTTTGATGGTTCTCAGATTAATGTTATACAAGAACTTTTGGCTG
ACAATGTGCAAAAGTCGGTGAGAACTGAATCAGAACTCAAGCTGCTTCCAAGCAACTATGGTGTTCCTTAA
AGAAAGTAAAGACAGTGGGGATACGTACTGTGAAGTTGGATGGCTTTTGTCTACGGGCATGCAATTACATC
AAGATGCATCTTCTCAAGCACATCGAAATTGAAGGAAATATCGATTGTGAATGAGACCCCTGCTTAAGATAGT
AACCAAGGAATGAAGGCTCAATTGAGCTACAGAGAAGGTCCTGATTACTCCTTCATTAGCCATTACATAAGCT
CTGAAATAAGTATGCTATATGTGTTTTTCATTCTAAATGAAGTATAAATATATAAAAACTCATAGTGTGCATTTG
TTTACAAATTTTGTAAACAAAACCTTATAGCATCCAAGAAGTTTTATATATGACAAAATTGTTCTAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAA

>trans_s_84 BT023725|Arabidopsis thaliana At3g46700 mRNA, complete cds

ATTCGATGATGCCATCGCTGACGGTGTGACATCATCTCTGGCTCTCTTGGAGGATCAGGATTCAGAGATTAC
TTCAATGACTCTATAGCCATTGGATCTTTCATCCGATGAAGAAGGGAATCTTGACGTCATTGGCTGTTGGAAA
TAACGGCCCAGATTCACAACCATCGTGAACCTCTCGCCGTGGTTCGTTGTCGGTGGCGGCTAGCACCCTGAT
CGGAAGTTCGAACTAAAGTTGAGCTCGGAGATGGAAGAGAATTCAATGGAGTCAGCGTCAATACATTTGAT
ATTAAGGGAAAACAAATTCCATTGGTTTACGCCGAGATATTCCGAAAGCTCCCTTCGACAGTTCTGTATCCAG
GTTGTGTTTTGAGAACACAATAGATTTGAAGTTGGTAAAAGGTAAAATTGTAGTATGCGATTCTTAAGTCTC
CCGGAGGAGTTGCGGCGGTAAAAGGTGCGGTGGGTATTATAATGCAAGAGATTCTTCTCCTGATGATACCA
CTCTTTTCCAATTCCTGCTTCTCATCTTGGCCCCGAAGCTGGTGCCTCATTCTCTTATATCAACTCAACCAAT
AGCATTCCAACAGCAACAATAAAGAAGAGCACAGAAAGAAAACGTAAAAGAGCTCCATCTGTTGCATCCTTTT
CTTCAAGAGGTCCAAACCAATAACTCCCAACATTCTCAAGCCAGATTTGAGTGGCCAGGAGTTGAAATTCTT
GCAGCATGGTCTCCAATTCCTCCACCCTCGGGAGCCGAAGAGGATAGCAAAAGGGTCTTTACAATATCATCT
CAGGAACCTCCATGGCTTGTCGCATGTCACTGCTGCAGCTGCTTATATTAATCATTTACCTACCTGGTCTC
CTTCCGCCCTTAAATCTGCCCTCATCACTACAGCATTTCGATGAGTTCTAACATAATCTGGACAAAGAGTTTG
GGTATGGTGTGGCCACATAAATCCACTAGGCGCAGTGCATCCTGGATTAATCTACGATGCTTCTGAAATTGA
CTACGTACATTTTTGTGTGGTCAAGGTTATACCACCGAGTTGCTCCAACAAGTATCGGAAGACAACAATACTT
GTTCTTCAACAATTCCGACACAGTGTTGACCTAACTATCCTTCATTGCTCTCTCCACGAATATCTCAAAAC
CGATCAATCAAGTCTATAGAAGAACTGTCACCAATGTTGGATCAAAATCTGCAACATATAAAGCTACTATAATT
AATCCATGGAAGAATCTTGAGATCAAAGTAAATCCTTCTGTTCTTTCGTTCAAGAATTTGGGAGAGGAACAAA
GTTTTGAAGTTACAATCAAAGGAAAAATTAAGAAAAATATTGAATCAGCTTCTTGGTTTGGGATGATGGAAA
ACACAAAGTGAGAAGTCTATAACAGTGTTTCGATGCTAATATTCACTCCTCCTAATTAATTTTAAATTTATTAT
TGGATAGATTATAAAATTTTACTACAAATGGAATAATTTTTCCATTTCTAAATTATAAATATATGTTGTGATT
TTCTTAAATTGTTGGATCAAATCAAAAAAGACATTCTTCTTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_85 AB087849|*Pisum sativum* PsDof4 mRNA for DNA binding with one finger 4 protein, complete cds

AGAGAGAGAGAGATCCAAAAAGAAAATAATGCTGGGAACTGTGAGAAAATGGTTCTCATTTCTTCATCTCCT
AATCAATGGCCTCAAATGATGAAGAATAATAATCATCCAACAAGTTTAGATCATGATCATCAAAGGGTTTGA
ATCTTATAGGCTCATCTTCTGGAATAATAATGGACAACAACAACAACAAGATCAAAGACTCAACAAAA
ACAACAACAACAACATCAACAAGAACCACTTAGATGTCCTCGTTGTGATTCATCGAACACCAAATTTTGTTACT
ACAACAACCTACAGCTTGTCTCAGCCTCGCCACTTTTGCAAGGCTTGTAACGTTATTGGACTCGTGGTGGCACC
TTAAGGAACGTCCCCGTTGGTGGCGGTTGCCGAAAAACAAGCGTCTCAAAGACCTACTATTGCCTCTACCA
CCACTACTGTTACTCATTCGTATCCTCCCCGGCCCCGACTGCCCGGATTGCACTTCTCGTCTTCGACTTCTT
GTAACACTAACCCACTTCATAATATCTTTTATGGCTCCACTTCTGATCTCAACCTTCCATTTTCCGGGTACGATCA
TCATCACCACAATCATCTTCAGACTCATTTAAATGCTCTTGGGTTAGGGTTTTCTTCTCCTAATATTGATCATAG
GGACTTTAATCTTAATGGGTTCAATTCAAGTTCCTCTTTCAGGTTATTCTAGTTTATTTGGTAGTAATAACAA
TAACCCATCTTCTAATTCAACCTCTATTTCTTCGTTACTTGCTTCTAAGTTTGATCCAAATCTTTTCGGAAATTTA
GCTTCTTCTCAACCGTTTGATGATCATGTGATGGGATCCAACGGTGGAGATCAACTAGGGTTGAATGTCAAAT
ATGTGAAATTGGAAGATGGGATGAAGAGGTTAAATTGGGAGGATGATGATCATCAACAACAAAATCATCAGA
CAGATAATGAAATTGTTGCTCAATCTAATGATGATCATCACAATTCTTTTTGCTAATAATTGGACCTCTCAAA
ATTGGCATCATGATCCTCCAAATCTTGCTTCTTCTATCACTTCTCCCTCATCTAGGGAAAAAGAAATCTAATTT
AAAGAGAAAAAAAACCCCACTTTTCATCTCTTCATTAGATTCTAGAATTTCTTCTTTTTTCTCTCTACTTTGTTGT
GAAGTTGAATGGGTCTCATTTGGTTTTTCAAAAAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGGAGCAAACCTTTGGGGA
TCGGAGTGTTTCATGTCAGCAGCAAGAAGAAGGAACTCAAATTGAAAAGTCTGTTAATTTTAAATTTTCATTTT
CATTTCCCATCTGGGTTTTGCGCTGAGAGGAACCTCGGATCCCTTTTAGCTCAACTGACATATACAATATGTAC
TACGAATCTACAGTGCGAAATCTTCTCATTCCAATCATCTTCACGCAAGAGATTCAGTTGAAGCTTAGCTCTTT
TCCAACCTTTCAGATTTGGAGGGTAGAAGTTGTATTTCTTTTCTTTAACTTCTCTTTTATTTAATTTAGTAA
GTTGGGTTTTTTTAGTGGCATTGTAAATATATGGGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_86 NM_100534|*Arabidopsis thaliana* enoyl-CoA hydratase/isomerase family protein (AT1G06550) mRNA, complete cds

TGCTGATCATCTTTCAATTTCACTCCCTGCTCAGATTGAAAACCCGTTGGGCTTGGATTTTTCGGTTCTTTTCGAT
CTGCTGCTCTCTTTTGATTGCTCGTTTTGCTAGATTCAATCCAGAATTCGACTTCGGAATGGCGCTGGAAGTT
GTCAAACAGAGGAAGAGGTTGTTCTGGGAGAAGAAGTTGGAATGTTAGGTTGATTACGCTTAACCGGCCA
AGGCAATTGAATGTCATCTCATCTAAAGTGGTTTCTCTGCTGGCTGGATACCTGGAGAAATGGGAAAAAGACG
ATGAAGGGAACTTATAATCTTTAAGGGAGCTGGTCGAGCCTTTTCTGCTGGTGGAGACTTGAGGATGTTCTA
TGAAGGCAGGAATAAAACAGAGGATTCATGCCTTGAAGTTGTCTACCGAATGTATTGGCTCTGCTATCATGTT
CACACGTATAAGAAAATGCACGTTGCACTGTACACGGAATTGCAATGGGAGGAGGTGCATCATTTATGGTG
CCAATGAAATTTTCAGTCGTCACAGAGAAAATATTTTCCCACTCCAGAAGCAAGTATTGGATTTCACACTGA
CTGTGGTTTCTCGTATATGTTTTCTCGCCTCCGGGATACTTGGGTGAATTCTTGGCCTTGACCGGTCCAGATT
GAACGGCAAAGAATTGGTTGCAGTTGGATTGCAACACATTTTGTCCCTTCTGATAAATTGGATGAAGTAGAG
ACACGTTTGATTAGTTGCAACTCCCATGATGAAAATTCAGTTGATCTGCAATTGAAGATTTTTCTTTAGAAGTT
CAGCTGGATGAAGATAGTGTCTTGAAGGCAATCTGTAATTGACAAGTGCTTTTCAAAGGAACTGTTGAAG
AGATAATAACCTCTTTTGAAGCCGAGGCAAGCGTTGAAGGAAATGGTTGGATAATTCCCGTCCTGAAGGGAC
TAAAGAGATCATCCCTACAGGACTGAAAATAACTCTAAATCGATACGCAAAGGTCGATTACTAACACTGCA
AGAATGTTTGAAGAAGGAATTCAGGCTGACAATGAACATTCTACGCACCCTTATCTCTGGAGATGTTTATGAG
GGTATTAGAGCTCTCACCATCGACAAAGACAATGCTCCTAAGTGGGACCCACCATCTCTTGACAAGGTTGACG
ACGATAAGGTAAACGAAGTATTTAGCCTTATGGGGAAGATTGGAAGTCCAAGTACCCATAGACGACGAAC

AAAGGTGGAGTGGTAAATATGAAGATTCCATTTATGCAACTTTGAAAATGGAGTGAGTAAGACAATTGCAAT
ACAAAGTTTCTCATGTTCTGCAGTAGCTGTTATGGTTGGAATAATCTTCTTTATCTTCTTTTATCAACTGCCTCAT
TATGCCTATCACAAGTATATCCTTTATAATCTAATACATATTTACATGCAAAGCAGTGATTTACAAATTTTGATG
TATTAATGTTATCTTGTTTACCGAAAATTAATTTGTGAAGAGGGCGTAGAAGGTAATTGTAAGAGGAGAGTC
GTAACCTGTAGTAACGACTTGTTCAACAACAAATCTGCATTGATCAAATTAATGTTAAACCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_87 NM_128188|Arabidopsis thaliana chalcone isomerase (AT2G26310) mRNA,
complete cds

ATAGCTGGCGCACTGTTACTATGGTGCTTGACTACATCAACTGCAAATGTGACTCGGGAGATTGCAGATGATT
TACATGGTTCAAATTCTAGAAGCTTTAAAAACTTCAGTGAAGTTTGGAGCATCCGTTCTAGTAGACTTGGGTCT
GGAGGATTTCACTTTAGCTTTAGTTTGGATAAAAAACATTCCAACCCGATTTTCTTGGCAAGCTTGGAAGTTT
TGCATCGAAACTCCTGGGTAAAGAGGCTGGAACAGCAATTGCATCCTTCTCCTAGCGGCCGCTTA
GTTTCTCCACTTAACAACCCAGCCAGCAGATCATCAGATATTATGCCTGTTCCATTGGAGAACGGCGAACTGCA
AGTCCATGGATGCATGGATCAGAAACCTGTGAAGTTGCATATAGAGCAGCACATGCTGGCTTAATGTTTCCT
GATGTGAACTGGGCAAGGCATGCAATTGAACCCATAACTGGCATTGAATTTCCCATGATGCTAGATAACATTT
TGGCTGCCGAAAATAATTCCAGCTTGAGTTCAGAGGTTCTTGTTGCAACTGGATCCAGAATAATGAAAATAGT
CAAAATTAATCCCTGAAGGTCTATGCTTTTGGCTTTTATGTTTCATCCAAAATCTGTCTGTGAGAAGCTTGGTCC
AAAATATGCTTCTAGTCCAGCAGATGAATTAATGAGCGGCGTGATTTTATGAGGACCTTCTGAGGGAGGAT
ATTAATATGACTGTCAGACTTGTGATTAATTACAACGGGATGAAAATCAATACTGTAAGAGATGCTTTTGAGA
AATCACTTAGAGCACGATTGCTGAAGACAAATCCAGAACTGATTACCATTGTGTGAGGACATTTGGTTCTCTC
TTCATAAAGATATCCATTACCTGTGGGAACAACAATTGATTTCCGACAGACAGCTGATGGACAATAATCAC
AGAAATGGGAGGCACTCTTATTGGGGCAGTTCGTAGCAAGGAATTGTGTAGAGCATTCTTGATATGTACCTC
GGAGATGTTCCAGTGTGCGAGGAAACAAAAAAGAGATTGGTAAAAATGTGGCAGGTCTTATTGGTAGATGC
TAACATCTTTGTCCCAAAGTTCAGCTTCAATTGTCCCATTTTATACGGACAATTTGGTTGCTCTGACATGAGG
AACTTAATGCAGCTGGCTGTAGCATTAAAAAAACCATCACTTGGTTTTAAAAGCAAAAGCTGGCAATAGCGAT
TGAGATCCAGTACATATTTCCGAAGGAAACACAGGTGCCACACCAAATTATCATTGAATTTTTTTTACAAC
CGCATATGCATCAAATTGATCGGCATTCACTCTTATTCCCATTTGCTATCTGTTTTCTTAATTTCTCTCAGCCTT
TGTTCCAAGTAACTTGAATAAGTAGTTGTTGGTTATGGTATATCTATGAGAGTGGGGTGGGAGTTACACAAAG
TAGTCTTTTCTTCTTTAAATTTAGAACAATTTTAGATGGTTAGCTAAGAAGACTTAGTTTAGGAATTGTACT
CGGGTTTATGAATTGTGTTTAATATAAAGTTTTCATTGTCTTTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_88 EU368699|Oryza sativa Indica Group SKIP interacting protein 9 (SIP9) mRNA,
complete cds

AGTGGTATGAAAATGGAAAGTTACCGAAGAAAAAAATACATTCACGGATTTTATTTCTTCTGCTGAATACTT
GATCGAGAATAAATACTGTTCAAAGGAAAAACTATGCATTAATGGAAGAAGTGCTGGTGGTTTGCTTATTGGT
GCTGTTATAAATATTAGGCCTGATTTGTTCAAAGCTGCAGTTGCTGGGGTACCTTTTGTAGATGTTCTAACGAC
CATGCTTGATCCACAATTCCCCTTACAACCTCGGAGTGGGAGGAATGGGGTGACCCTAGGAAGGAGGAATT
CTACTTTTACATGAAATCATATTCTCCGTTGACAATGTTAAGGCTCAAAATTATCCTGACATACTTGTTACTGC
CGGCTTAAACGATCCACGTGTCTTATATTCAAGAACCGCTAAGTTGTGGCAAAATTAAGGGCTACGAAGACT
GATAATAATCTTCTGCTTTTCAAATGTGAACTTGGTGCTGGACATTTTCAAAATCAGGAAGATTTGAGAAGCT
TCAAGAGGATGCATTCACATACGCTTTTATACTGAAGTCTCTTAACATGATTCCAGCACTCGGAAATTGAGCAG
AAAAAGCTGCTCCCTTGATGGTACACTTCTTTCATTCTTCTATTGACCTTTTATGAAAATCTTCTTTACTAGA

AAAAGGGTCATATTTGTAAGTCTTACCTTACCATTAGATAACCTATGCTATTTTTATAAGATAACTAGT
TAGCATTTCATGTGCTTTTGCACCACCATTTTTAGAAATTCAAACAAGTTTATTATTCTCTCAATAACACAAGGAT
GAGGGACCTTTTCCCTTCTTCTAACCACCCTAGCTGTATTTTCATGGTTTCTTACAACCTCAAAGTTCTAACCAT
TTGTATTATAATTTTATACTTTCCCACTCCTGCGTACCTATTTGAGAATGTAACCAAAGTGTGATATTGGTTAGG
AAATGGAAAGTCCATGCTATATGAGTAAGGATGTACAATTATATATCGGTATTGGTATTAGGTCTTGGGTAAA
ACCAAAAACTATGGGAAACATTTTCTATACTATGGTAGTAAGAAAAATTCCTATACTACTACACTAGCATACT
ACCTCTAGTTATTTTGTATCACATTAACATACTTTTAAAAATAAAATGAAATCTACTGTGTTACACAAATATTTAT
GAAGACAAATTTATAGTATAAACAATTCTCGTAGTACTGAAAAAATTGCCGGCTATGAGAAGACCATGTTTGT
TTTATGGGAAGTCGCATTTGGGTTTTGACCCGGATAAAAAGTTATATACGTTTGTTTCATGGACTTCGAAATATG
AACATGAATGTAAGTCTAGAACGTTTCGCACGTGAGCAAGAAAGTTTAAAAGTAGGCCTGAGATTCAACGGTTT
TGACTCAAATAAAATATATTACATCTTATATTCTTATATGTGTGTGTTATGCAATTACCTTAAAAATATTTTACAT
TTTTCCACCATTGCTAAAAGATAATTGTACATTTGAATTGATGATTGAATGAAAAATATAGGGTGAGATATATG
TGTTGAATACAAGTTTAGAGCCCAATTGGTAAAGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_89 NM_113314|Arabidopsis thaliana glutamine-fructose-6-phosphate transaminase
(isomerizing)/ sugar binding / transaminase (AT3G24090) mRNA, complete cds

ATATCAAGGATGGAGCTATATCTATATTGAAGTTTGACAAGGAAAAGGGGAAAAGTGGTGGAGCTCTTTCTA
GACCTGCATCAGTGCAACGTGCACTATCTGCTCTAGAAATGGAGTTGAGCAAATAAATAAGGAAAATTATG
AGCACTACATGCAGAAAGAAATTCACGAACAGCCTGAATCTTTAACGACTACAATGAGGGGTAGGCTAATAC
GTCGAGCTTCTTCAAAGAGAAAACTGTTCTTGGGTGGACTAAAAGATCGCCTTAAACAATAAGGCGAAG
TAGGCGTATTGTTTTGTTGGTTGTGGTACAAGCTATAATGCTGCTTTAGCTGCCAGGCCTATCCTTGAAGAAC
TATCCGGTGTTCTGTTACAATGGAAATTGCTAGTGATCTCTTGGATCGCCAAGGGCCAATATATAGAGAAGA
TACGGCAGTTTTTGTCAAGTCAATCTGGTGAAGTGCAGATACTTGCATGCCTTGAATATGCTTTAGAAAACG
GAGCATTGTGTGTAGGCATAACAAATACAGTTGGTAGTGCAATAGCCAGGAATACACATTGTGGAATTCATAT
AAATGCGGGTGCTGAGATTGGTGTGCAAGTACAAAAGCATAACAAGCCAAATAGTTGTGATGGCCATGAT
GGCTCTTGCAAGTTGGTGGTGATTCAATCTCCCATCAAAGAAGAAGAGAGGCTATAATAGATGGCTTATTTGAA
TTGCCAAACAAAGTGAGGGAAGTGCTGAAACTGATCGGGAAATGAAGGATCTTGCCGAAGTATTGATTGCT
GAGCAGTCACTTCTTGTCTTTGGGAGAGGATACAACTATGCTACAGCGCTTGAAGGTGCTTTGAAAGTAAAGG
AAGTGGCACTAATGCACAGTGAAGGATTGCTTGCCGGGGAAATGAAACACGGTCCTTTAGCATTGGTCGACG
AAAATCTCCCGATCGTTGTTATTGCTACACGTGATGCTTGCTTCAGCAAGCAGCAGTCTGTCATCCAACAACCT
CATGCTCGCAAAGTGCCTCATAGTCATGTGTTCAAAGGGGACGCTCAAAGCGTGTGCCCCGGAGATTCTT
GTAGAGTAATAGAAGTTCCCCAAGTTGAGGATTGCCTTCAACCCGTCATTAATATTATTCCATTACAGTTATTG
GCATATCATCTCACTGTTCTTAGGGGTACAATTGTGATCAGCCTAGGAATCTTGCCAAGAGTGTGACAACTGA
GTAGTGAAGTGCACCATGACAATATCTTCTTCTTCTTCACTCTTAACACCTCATGAGGATTGACCTTCTTG
CGCTACACTCGGGATCTTCTGTAGATTGCGACTTCTGATCTTCTGATGATTTGATTTTAACTAGGGTTGGGAG
CCTTGTCTTTGTACATTAGCAGATAATAGTTGCTGCTGGGCTTTCACAATTCTATTCATTTGGAAGATAATGTG
TTGGGTACGATAATTATGATATGTTATCTATGCTTCTTTTATTTGACTTATCTTCAACTGTTGTGAATACCTC
ATCTTAATCTCAACTCTTCAAGTTTAGATGGAATATAATAAAGGGGCAGAACCTCATCTCAATCACAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_90 NM_001069596|Oryza sativa Japonica Group Os09g0381600 (Os09g0381600)
mRNA, complete cds

GGAAGTGTGAGATATATGAATGGATGGCCTGCACTTCTAAAACTATGTAGACCCATTTGGCGAACAAGGAA
GCTGTATAGAAAGAGACTCCTTTTTTCTTTTCTTCTCTTATCTAAATCATCTTCTTCTCGTCTTTTCATCA

TCTTTCTTTCAATCTATCAACAAAGAATTCAGATGGGGAATTGTCAAGCGGTTGATGCGGCGGCTTTGGTTAT
ACAGCACCCAAGTGGCCGGATTGAGAGGTTGTATTGGCCGGTGGTGGCTAGTGAAGTTATGAGGACTAATCC
GGGTCATTATGTTTCTCTTATAATTCCATTGCCTCAATCTGAGGATGACAATAGCGAGCCGAAAACGGTGCGTT
TACTCGTGTCAAGCTTCTCCGGCCAAATGACACTCTTGCTCTTGACATGCCTATCGCCTTGTTACCACTCAAG
AGGTTATGAAGGTGTTGCGGGCTAAAAAGTATGCAAATCTAAGAAGCCTTTGCCGGAATCGGAGGAGAAG
CCGCAGACGGAGATGGAGAAGCGGTCTGCTGGTGATGAAGAAGAAGATACTGAAAAGAATCAGCAGGTAGT
CAAACATGAAAGACATCGAATTAGAACGCCTGTAGCAAACACAACCTGCGGCGAGGTCAAGGGCTTGAGACC
ATCGTTGCAAAGCATCTCCGAAGCTGCCAGCTGATTTATGTTTCTCATACTTTTTCTACATCATAACAAAGCAA
GAGTGGTTCATACGACAGAATAGAGGAGTTTGATTAAAGATAGCTCTCATTGATGGCAGAGAAACATCTCAAT
TTATTGAAAGTTAGAAGATTCAGAGAGAGCTTGAAAATGAGCATCCAAGTTTCCAATTTCAAGTGAAAACCAC
AGCCCCAGAATGGTTCATGTATTGCAATTGCAACTAATAAGCCATTTGTATAGCAACAACAAAGATATCAATG
AAATTGACACTGTGTTGGAGTATCTTTGTGATGATACACACATTTTTCTCCATCATCTTCAACACAAGAGCAA
AGATAACCGAATCTAGATAAAAATATACAAGTATCTTCACAAATGAAACAACAAAAAGAGAATCATTTGAACC
CTCCTTTTGAGTTCCAAATGTTCCAATCGTTATCCAGATAGTTTTGAGCCCATAGGAGTGAAGTTCTTGACGCC
AAAGGCGCTCCGGTAATTTCTCTCATTGAGAGCAATAACATATTAGTGAAAGGCTCTACTATTAATGTCCC
AGGACCTCCGTACTCCACATGCAAATATTCACCAAATATCTTCGAGCAAACATCCGCAACTGAATCGAAGTCGT
TCCCGAATGTCTCGCGATCTTCGCTAGTTTCTCGATAACTGCTCCTTAAATTTCTGGGTTGCAACTTCTGCAA
ATTCCGGTATTGGTTCTGGGTAAACGTAGCTAGCCGTGATGGGAGTGGCCCTGTAAATTACGGACGAAGTTA
AAGTACAATTAACCAAAGGCTTTACGAAAGAAGGGAAAAGGGAAAATGTTGGATAGTGAAGACCGTTGAAG
CTTGTTATCTTGGCGGGAGAAACCTCAATGGCCGTGACCAGAGCGCAACCGTACGGCGCCATTGGATGGGGT
TATCCCCTTT

>trans_s_91 NM_126196|Arabidopsis thaliana QPT (QUINOLINATE
PHOSPHORIBOSYLTRANSFERASE); nicotinate-nucleotide diphosphorylase (carboxylating) (QPT) mRNA,
complete cds

AGTCGAACCCCTCGCAAGTTCTTGCTTTCTGCTCCCTCTTTAGTTCTCTTCGTCCTCAATTTCTCTTTATCTCCCA
GTATAATCGCCAACCTTTTTGGAATTTCCAGACTGTGAACCACACATTCAGTCCCGGAAGACTTATGCAACCGC
AATTCTACTTTATCTGCACACTCAATTAAGTCATTTGAGTAGATGTATATGCTGAATTTGTATAGACCCTCTTTC
GGGCATCTCTGGCAATGCTGTGAACATAAGGATTTGTGGGGTTGTTCTAGAGGATTAACACACATTCCAATCT
CTACTGCTCGCTGCTTAGGTTCCAGGAAAATTATTGCCATGTCTGCATCTGTATCAAACGATTCTGGGATATCA
GTTGCATCAGTAGCAATCCAGCCTCCATCTCACCTACCTATGATCTGCGTGGCATCATCAAGTTAGCCCTTGC
AGAAGATTCTGCTGACTTTGGTGATGTAACATCTTTGGCAACTATCCCTTCTGACATGCTAGTGGATGCTTTCTT
TTTAGCCAAAGAGGATGGAATTGTTGCTGGTATTGCTCTTGACACATGGTTTTCCAGGAGGTTGATCCTTCA
ATTAGGGTGGAATGGTCAAAAAAGGATGGAGATTATATTGTAAGGATTGCAATTTGGAAGGTTTCTGGG
AAAGCACAAAGCATTCTGTAGCTGAAAGGGTGGCACTAACTTTATGCAGAGAATGAGTGGAATTGCAACT
TTAACTAAGGCAATGGCAGATGCTGCAAGCCCTGCATGCATTCTGGAAACCAGAAAACTGCTCCAGGTTTAC
GTTTGGTGGATAAGTGGGCGGTATTAATTGGTGGAGGTCAAAATCACAGGATGGGTTTATTTGATATGGTGT
TGATAAAAGATAATCATATATCAGCAGCTGGCGGCATCTCAAATGCCATTAAATCCGTGGACTTGTATCTGCA
ACAAAGGAACTTAAATGAACGTTGAGGTTGAGACCAGGACTCTCGAGGAAGTTCATGAGGTACTACGCTA
TGCAACTCAAAACAAGACATCCTTAAGTAGGATGATGTTGGATAATATGGTAGTTCCACTGCCAAGTGGTGAT
GTTGATGTTTCCATGCTTAAGGAGGCTGTAGACATAATCAATGGGAGATTTGAGACTGAGGCGTCAGGAAAT
GTTACTCTCCACACTATACATAAAATTGGACAACTGGGGTTACTTACATATCCAGTGGTGCCTGACACATTC
TGTGAAAGCTCTTGATATCTCTTTGAAGATAGACACAGAATTGGCCCTTCAAGTTGGAAGACGTACAAAACGA
GCTTGATTGATGATTCACTTCTGTATTGGTAAAATATTTATCCACTCAATCTTACAACGTCTCACCTATTCT
TTTTCTTTTGGTTTTCTTTTCTCCAACGCAAATTTGGTCCCGATATTTGATAAATTATCGTATGGCTGGTAT

TTGATGGTATGGGGTAAAAGTACCCATCTATCTTATAAGAAGTGTAATTTTTTTTTTCTTCCAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_92 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CAAGGTTTCCTCGCCGGTCTGCCTCTATGGCCCTCGAGTGCAAAGGCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAGACCC
ACCCGTCGAGCAGGGACGAAAGTCGGCCTTAGTGATCCGACGGTGCCCTCACCTTCCCGGCACGCTCAACGG
ATAAAAGTTACTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTGGCACCTTC
ATGTCGATACCATGAGTGCTTAGGGCGTCCCAAGATATGTTTTAGATACCGCTATACAATTACAACCCGTC
TTTGCTCAATGGATACAAACACCCATACTTAGCACCTAGTATAACGGCCCCGGTGCAACAACAGGCACCA
GTTTGACTTGGGGGGGTGGTGATTTAGTGGCAGTGGGCGGCAAAGTTGCTTTGTTACCTATTCCGTTAGGAAC
CGCAGATTTTTTGGTACACCATATTCATGCATTTACGATTCATGTAAACGGTATTGATACTCCTGAAAGGTGTTCT
ATTTTCTCGTAGCTCGCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTTCCCTTGATGGACCCGGAA
GAGGGGGTACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTAGGGCTATTTGGATGTACAATTCCATTTG
GTAGTAATATTCCATTTAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTGTAAGTGATCAAGGGGTAGTAA
CTCATATTACGGGAGCTTCATTTGCGCAGTCAAGATAATGATATAATGGGTGGCTTCGCGATTTCTTATGGGC
ACAGGCATCCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGCCTGTTTTCTAGGTGCTCATT
TGTATGGGCTTTTAGTTTAATGTTTCTATTAGCGGGCGTGGTTATTGGCAAGAACTTATTGAATCCATCGTTT
GGGCTCATAATAAATTAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTGTCCAAGGACGTGCTGT
AGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTAGCAAGAATTATTGCAGTC
GGATAATGGCTAGGAGGATTTGAAAGGCATTATGGCACTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCA
GGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGTGCAGTCCTAGGGATCATGATGATATTACTG
AAGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCATTTGGGGCAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAA
ATCTCTTTTATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTACATGTAAGACCTATTGCT
CATGCACGGGTGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTTTACTCGAGGTGGTGCTCTTGGCCCAG
TGAATATCGCTTATTCTGGTGTTTATCAGTGGTGGTATACAATCGGTTTACGCACTAATGGGGATCTTTATACT
GGAGCTCTTTTTCTATTATTTCTTCTGCGATATCTTAATAGCGGGTTGGTTACATCTACAACCGAATACCCGG
TTTT

>trans_s_93 NM_121094|Arabidopsis thaliana glycosyl hydrolase family 3 protein (AT5G10560)
mRNA, complete cds

CAGTAGCAACAGTTTATGAATATCAAAAGTACACCGACACCCCTGAGGATGCTGTAGCTGATGTTCTAAAAGC
AGGATTGGATATTAAGTGTGGTACATTCATGCTTCGGAGTACAAAATCCGCGATTGATCAAGGGAAGGTGAA
AGAGGAAGAGTTGGATAGTGCTCTATTAATCTATTTTCGGTTCAAGCCCGCCTTGGATTCTTTGATGGGAATC
CAAGGGAGGGGATGTTTGGGGAGCTGGGAGCACAAAATGTTTGCACCGCACAAACACAAAATCTGGCTCTTG
AAGCTGCAAGGCAAGGAATTGTGCTGTTGAAGAATGAAAACAGATTTCTTCCGTTGGATAAGAATGCCATTT
TTCGTTAACTGTTATTGGATCTTTGGCTAATGATTCAAGCAAATTGCTTGGAGGTTATACAGGAGTTCCTGCA
GCCCCAATGAGCCTTGTTGAGGGATTTCAAGAGTATGCAGAGACTATATTTTTGATCTGGCTGCCTTGATGTG
CCATGTGCATCGGATAGCGATTTGACAAAGCAATTTATAGCCAAAAAGCTGATTTTGTATTGTAGTGG
CTGGACTTGACGCATCTCAAGAACTGAAGATCTAGACCGAGTTAGTCTTTTACTACCTGGTAGACAAATGGA
CCTTGATCTTCCGTGGCATCCGTGAGTAAGAAACCGATCATTCTGTACTCATTGGCGGAGGACCGCTTGATA
TATCTTTTGTAAAGAAAGACTCAAGAGTTGCAAGTATTCTTTGGATTGGGAATCCTGGCGAAGCTGGTGGGAA
GGCTCTGGCTGAAGTCATATTTGGAGACTACAACCCAGGTGGAAGGTTACCCGTAACATGGTATCCACAATCA
TTCACCAACGTTCTATGAACGATATGCACATGAGACCAACCCATCTCGTGGTTACCCGGAAGAACATATCG

ATTTTACACCGGAGATAGAGTCTACGGATTCTGGGGAAGGCTTGAGTTACACAAGTTTCAAGTATAGGTTGTTA
TCAGCACCAAAGAAGTTGAGTCTTTTGGGGAAAATTGAGATGTCTAGGAGAAGAATAATACCTCAAGTAGGA
GATGGAGTGAATATGAGTTATATGGAAGTAGAGGAAGTAGAATCATGTGATTGCTGAGATTTGAAGTTAAG
TTATCAGTTAGTAACGTGGTGAGTTTGATGGAAGCCATGTAGTGATGATGTTCTCTGAGTTTCCAAAGGTCTT
GACGGGCACCCCTCAGCGGCAGCTGATTGGCTTTGATCGCTTGTATGTGAAGAGAAATCAATCGGCTGAAAG
CAGCATAACGGTGGATCCTCGTAACCACGTTAGTTCGGCAGATGAATATGGAAAAAAGTGATTCCTCTCGGT
GATCATATAATAAGCTTGGGAGATTTAGAGCATGTAATTTCAATCCAGGTCTTGGAAGTGTGTATATATATGT
GAAATCAACACATCTTAAAGTATATGCTCGTGTTAAATTTAAATATACCTCAACTTAAAAATTCGCAGTTGATT
GAGGAAGTATTAACAAAACATTGTTATTTTAAATGAAGTTTATATTTAAGTATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_94 NM_113479|Arabidopsis thaliana PP2AA2 (PROTEIN PHOSPHATASE 2A SUBUNIT
A2); protein phosphatase type 2A regulator (PP2AA2) mRNA, complete cds

ATTGTGTGAAGCTGTAGGACCTGAACCACTAGGACGGATTTGGTACCTGCTTATGTGCGCTTGCTTCGAGAC
AATGAAGCTGAAGTTCGTATTGCAGCTGCTGGCAAAGTGACCAAGTTTTGCCGGATTTTAAGTCCAGAACTGG
CAATTCAGCACATTCTCCCTGCGTGAAGGAATTGTCATCAGATTCTCTCAGCATGTCCGTTAGCTTTAGCCT
CAGTTATCATGGGAATGGCTCCTGTGTTGGGAAAGGACGCTACCATTGAACAGCTGCTCCAATATTCCTTTCT
CTGCTTAAGGATGAATTCCTGATGTGCGCCTTAACATCATTAGCAAGCTTGATCAAGTAAATCAGGTTATAGG
AATTGATCTCTTGTCTCAATCGCTGTTACCTGCCATAGTTGAAGTCTGAGGATAGGCATTGGAGGGTTAGGT
TAGCAATCATAGAGTATATTCCTTTACTGGCAAGTCAGCTGGGTGTAGGGTTTTTTGATGATAAGCTCGGCGC
TCTTTGCATGCAGTGGTTACAGGATAAGGTTTACTCCATCCGTGATGCAGCTGCTAATAATTTGAAGCGACTTG
CTGAAGAGTTTGGTCTGAGTGGGCAATGCAGCATATTGTCCACAGGTTCTTGACATGATTAACAACCCACA
TTATTTGTATCGAATGACTGTTCTTCGTGCGGTCTCCCTTCTTGCCCCAGTTATGGGCTCAGAAATCATATGCAC
AAAGCTTTTACCTGTGGTTATCAGTTCTTCCAAGGACAGGGTTCCAAATATCAAGTTTAATGTGGCGAAGGTGT
TGCAGTCCCTCATTCCCATAGTTGACCAACCTGTGGTGGAGAAAAACAATCCGTCCTAGTCTAGTTGAACTCAGT
GAGGATCCAGATGTAGATGTTTCGGTTCTTTGCTAACCAAGCTCTTCAATCAATCGATCACGTGATGATGTCTAG
TTAAACAGAATTCCATCTCCATCATAAACATCTTGACGAAGTTGCTTTTGCAGAAGTTGCTATTGTTTTAAGA
AAGCGAAAATAGCTGTATGTTTCTTCTCGTCCCGTTGGTTGTTGTAGTGCAGTTTCTAGCGTGCAGAGCAAG
GCATTCAAGACCTCTGGGTTTACTCAGTTGATCATTGTGAGTGATGAAATATCTCCATTGAGTAGACACTTCA
CCATATGCTTTTTATCATTCTTGGCATCCTATAATCTAATATTCTTTTTTCACTTTCTTTTTTTCTTTTCAACAATT
GACTCAGAATTTGTTGGATGTTAACTGGGGGACGGCTATGAAGTCTCATTGTATCTATACTTTTTTTGGTT
GCCAACCTCGAATATCTACTGTAATAGTTATCAATTTGTATTAATTGTATTGACTTCACCCCCAATATTCCCAA
AATTAACATGGCTGCATATCTCGACCATAGACGTACTCTACCATATTATATGATCATCATTACATTTGTTGTAT
TTATATATTTGTAAGGACGAGAGATACCAGGAAGCCAAGCTAGCCAACCTTTAAGTATGTAATTGACATGCAT
TTTCAACTGCCATGGATGACTAAAGGGTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_95 NM_123761|Arabidopsis thaliana HOT5 (sensitive to hot temperatures 5); S-
(hydroxymethyl)glutathione dehydrogenase/ S-nitrosogluthione reductase (HOT5) mRNA,
complete cds

ATAGCCTCTCATCCTTCTCCTCCATCTCCTTTATCCTTCTTCATCATTTATTTACCTATGGCAACTCAAGGTCA
AGTCATCACTTGCAAAGCGGCGGTGGCCTGGGAACCAATAAGCCATTGGTGATCGAGGATGTTACAGGTGGC
TCCGCCGCAAGCCGGCGAGGTCCGTGTCAAGATCCTCTACACTGCTCTTTGTCACACTGATGCTTATACGTGGA
GTGGCAAGGACCCTGAAGGTCTCTTCCCCTGTATTCTTGGTCACGAGGCTGCAGGGATAGTAGAGAGTGTG
GTGAAGGTGTGACTGATGTTGAGCCTGGAGACCATGTCATTCTTGCTACCAAGCAGAATGTCGAGAATGCAA

ATTTTGCAAATCAGGGAAAACGAATCTTTGTGGCAAAGTTCGCGGTGCCACTGGAGTGGGAGTGATGATGTC
AGATCGTAAAAGTCGTTTCTCCATTAATGGAAAACCCATATATCACTTCATGGGCACGTCAACATTTAGTCAAT
ACACTGTCGTTACAGATGTCAGTGTGGCAAAATTGATCCCACGGCCCCCTTTGGATAAAAGTATGCCTTCTTGGA
TGTGGTGTTCACACAGGTCTTGGAGCTGTTTGGAACTGCAAAAAGTAGAGCCAGGGTCCAATGTTGCTATTT
TTGGCCTGGGAACTGTAGGCCTCGCTGTGGCAGAAGGTGCCAAAGCAGCTGGTGCTTCACGTATAATTGGCA
TTGATATTGACAGCAAAAAGTTTGAAATTGCTAAGCGATTTGGAGCCAATGAGTTTGTGAACCCAAAAGAACA
CGACAAACCAATTCAGCAAGTCATCGTTGATCTCACTGATGGTGGTGTGACTACAGTTTTGAGTGCATAGGG
AATGTCAACGTGATGAGGTCTGCTCTGGAATGCTGCCACAAGGGCTGGGGCCAATCCGTCATTGTTGGGGTT
GCAGCATCTGGCCAGGAAATATCCACAAGGCCTTTCCAGTTAGTGAAGTGGTCTGCGCTCTGGAAAGGAACAGCTT
TTGGTGGTTTTCAAAAGTCGTTCTCAAGTGCCTTGGCTTGTGAAAAGTACTTGAAGAAGGAAATTAAAGTTGA
TGAATACATAACCCACAATTTGACGCTGGAAGAGATCAACAAAGCCTTTGATCTGATGCATGGAGGTGATTGC
CTTCGCTGCGTTCTTTCCGCCCATCCCTAAGCTCGAGTATGAACCTATCCCTTCTTTCTTATTATGGAAGCTCC
TAAAAATAAAGCCGTTTTGAAATCTATGTGATATTTTTATAGGACCATATATGTAATGGTTTAGCTTCACGCTG
AAATTTGATAATGTTCTCTATGGTTCTAAACAATGTTGACATTTGAGTTAGGATGGTTTTAATGTCTTGAATCAT
TTCAGTAAAGCCTACATAATATTAGTCTAGAGATCTTGGTGAATCCTTGAAGTTCTATGATTCTCTTAATGCTA
GAAATTAGTTCCTCCATCACTTTTATTCTTTAAGAACTTCATTCCTCACATGTGGAAAGGGTGGGCCAAGATT
GTAATATCACCAACAAACTGATATTGGATGCTTTTTCTTTTCGGTAAACTTCAAATACATTTAAAGATGTTGG
TC

>trans_s_96 AB200262|Nicotiana tabacum pao mRNA for polyamine oxidase, complete cds

ATATTTCTCGTTAACATTTTTCAATACCTTCTTCTATTTTCTTTTTCTCTTCTTCAATTCCTCACTTAATGGAT
TCTCCTTCTCGTTCCTCCGTCATCGTCATCGGCGCCGGTGTTCGGTTTGTGCGCGGCGAAGGTTTTGGTAGA
CAATGGAATAGATGACTTGGTGATTTTGGAGGCTTCTGACCGTATTGGAGGAAGAGTTTGAAGGAGAATTTT
GGAGGTGTATCGGTGGAACCTTGGAGCGGGGTGGATTGTTGGAGTGGTGGTAAAGAGCCGAATCCGGTTTG
GGAACCTTGCTCTCAAATCTAGTCTCCGTACTTGCTTCTCTGATTACAGCAATGCTCGCTACAATATCTATGATCG
AAGTGGGAAGATTTTTCCGAGTGGAGTTACGGCCGACTCGTACAAGAAGGCGGTGGACTCGGCGATTGAGAA
GCTGAGGAACCAAGGGGAGGATGCTGGTGATTTATCAATTGTATCAGAGCCACTTTGTACGCCAAAGACTCCC
ATGGAACCTCGCTATCGACTTTATACTCCATGATTTTGAAGTGGCAGAGGTTGAGCCTATATCGACGATTTGGA
TTTTGGAGAGAGGGAATTTTTGGTTGCAGATGAAAGAGGGTATGAATGTTTACTATACAAAATGGCTGAAGA
CTTTCTTTTACCTCAGAAGGAAAAATCTTGGACAGTCGTCTCAAACCTCAACAAGGTTGTTCCGGGAAATACAAC
ACTCGAGAAACGGGGTACTGTAACAACGGAGGATGGATGTATCTATGAAGCCAATTATGTGGTTTTGTCTGT
TAGCATTGGTGTACTCCAAAGCGACCTCATTTCTTTCACTCCTCTTTACCCGGGTGGAAAACAGAGGCCATAG
AGAAATGTGACGTGATGGTGTATACAAAGATTTTCTCAAGTCCCATATAAGTTCTGGCCGTGCGGACCCGG
AAAAGAATTCTTTATTTACGCCCATGAAAGAAGGGGCTATTACACGTTTTGGCAGAACATGGAGAACGCCTAT
CCTGGGTCCAATATCCTGGTGGTGACAGTTACAAATGGAGAATCGAAACGAATCGAGGCTCAATCTGATGAG
GAGACAATGAAAGAATGCATAGAAGTGCTTAGGGATATGTTTGGACCCGATATCCCTGATGCTACTGACATAC
TCGTTCTCTCGTGGTGGAGTAACAGGTTTCAACGTGGTAGCTACAGTAACTACCCCATCATCTCCGATTGCCAA
GTTGTTCAAAACATTAAGGAACCCATTGGACGCATATACTTCACTGGAGAACACACAAGCGAAAGATTTAATG
GCTACGTACATGGTGGATATCTTGCAGGAATAGACACAAGCAATGCCTTGTGGAAGAAATGAGGAAAGATA
AGGAGAGAAAAAGTGATGGCCAATCATTCTGTTAGAACCCTTATTAGCTCTAACAGGATCATTGTCTTTGTCA
CAAACAGAGGCTGTCTCAGGCCTTCACAAATGTGATCTTCCAACACAATTGTACCTTAACGGCAAGCTCGGTAT
CCAAGAAGCGATTTTATGACTACATGGACGACATGCTGATGAACATAGATCTAATTTGAACGATGATGAAGAA
AGTGGAG

>trans_s_97 Z29593|V.faba mRNA for guanine nucleotide regulatory protein (1226bp)

AAACTGATGAGCGTTGACGAACTTCTTCTTCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTGATTTCCAACCC
TACCTCTCCTCTCAGGTATTTCCAATCCCTTTATTTCACTTTTTCTCCTCTTTCACCCTTCACTTCCTCTTCCCTGC
TCTTTTCCCTTTCTGATCACTACACATTTATTTCAAATTTACGACCAACTTCTCCCATTGCTTTACTCTGCCAGA
TTCCACCTTCATTACCTCCAAATCTAACACCCCTTCCCCCCTCCTCATTTCTCAAGAACTAGCTGGGTTCATA
TTGAGAAAGCACCATATTTTTTTACTCGATCTGTTGAAGCTAAGGCGGATTGACACAAGATTATATTCGATATC
TCTTTTGTTCCTTCTCTCTTCATCAGCTACTAGCTTCAGAATATTGGTACTCTCAGATTCTTTCCTTACTCCATC
AAGGAAAAAATGCATCCTTAGGTGGAATTTGACTTTCTGAAGGACCCAGAATTGAGAAGGTATTTTGAACTA
TTATGGTTCTATAGAGTTCGGTGAGGCTTGGGCAATGGCTTTTTATTCCGAGGAGGAAAAAACTGAAGATTAT
CTTTTCAAGATTGTTTTAATTGGTGATTCAGCCGTGGGAAAATCAAATTTGCTCGCTAGATTGCTAGAGATGA
ATTTTACCCTAATCCAAGTCAACCATTTGGAGTGGAGTTCAGACCCAAAAGATGGAAATAAATGGAAAGGAA
ATCAAAGCTCAGATATGGGATACAGCTGGTCAGGAGCGATTTAGGGCCGTTACGTCTGCATATTATAGAGGA
GCTGTTGGAGCTCTCCTGGTATATGACATTAGTAGGCGTCAGACCTTTGACAGCATTGGGAGATGGTTGAATG
AACTTCACACTCACTCTGACATGAACGTAGTAACCATACTGGTTGGCAACAAGTCTGATCTCAAGGATGCTAG
AGAAGTACCTACTGCTGAAGGCAAGTCTTTGGCAGAAGCTCAGGGTCTGTTTTTATAGAAACCTCAGCCCTC
GATTCTTCGAATGTGACAAACGCATTTAGACAGTCGTGAAAGAGATCTACAACATATTGAGCCGAAAAGTAA
TGATATCTCAAGAACTTAAGAAGCAGGATGTGAGCTGGATGGAGAATGGAAAGACTACTGTAGTTATACAGG
GAGAGGACCAAGTAGAAGGAGAGCCCCAAAAAGGTGGGTGCTGCTCATCCTAGTAATTTACATATTGGAATC
TGTTCTTTCATTTATTCTGCTCATTATATAGCATCATTTGCTTAACAACCTCCACATGTATCTTCTCTCATCTTG
TTGAGTTTTCTTCAGTCGATGAATCTGCTCTTTATGTTTTTCTTCTGCAATTCTGAGTAACATTGATTTGATG
CGTTCTCGCACGACTGATGGATTAAAGAAACATGGGGGGAATTGAAAAATGTAAATCTGACCTGAAAGGGTT
TAATTTTCAAAGAAATATTTTACCTCTGTTCAAATTTATGCTAACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_98 NM_001052744|Oryza sativa Japonica Group Os02g0198600 (Os02g0198600)
mRNA, complete cds

AAAGAAAAAAAAAAGTACAAGCTTTTCTCAATCTCCAATAGTTTCTTCTATGCTTCAAATCCAGCTCCGTA
ATTTATTAAGTCAAGTTTCTCCACCAACACTTACACATCGTAGAGCAACATCAAAGTATTGAGTTTACGAAGA
AGAAGAAGAAGAAAAAGAAGATGAGAATCACTGTGATGACAGCCGACGAACAGATTCTTTCCTTGGATGTTG
ATCCAATGAATCTGTTGAGAACGTGAAGGCTTTGCTTGAGGTTGAGACTCAAGTACCGCTTCAGCGGCAGCA
GCTGCTGTACAATGGGAAGGAGATGAAAAATTTGAAAAATTGAGTGGCTTGGGTGTTAAAGACGAAGATT
GATTATGATGGTATCAGCTGGCGCTTCTAGTGCTCCTACCAATAATTTGAGCTTCAATCCAGATGGTTCTGCAG
TGAACCTGAAGCCTTCCAGCAACACATTAGACGTGACTCAAATACAATGGCTCAACTTTTCCAGAGTGATCCT
GAATTGGCACAAGCTATTGTTGGAAACGACCTGAACAATCTGCAACAGATTTTAAGAGAGCGTCATCGTCAAA
GATCTGTATTACAGCGTCAACAAGAAGAGAAGATGGCCCTTCTGTATGCAGATCCTTTGATGTTGAGGCCCCA
AAAGAAGATCGAAGCTGCTATTGCGCCAGAAAGGAATTGACGAAAATTGGGCTGCAGCTCTTGAACACAATCC
CGAAGCTTTTGAAGGGTGGTCATGTTATATGTTGACATGGAAGTTAATGGTGTCCATTAAAGGCATTTGTT
GATAGCGGAGCTCAATCAACAATTATATCAAAAAAGCTGTGCTGAGAAATGTGGATTGTTGAGGCTTTAGAT
CAACGCTACAAGGGCATTGCTCGTGAGTAGGCCAATCAGAGATCTTAGGTGCAATCCATGCAGCTCCAATCA
AGATTGGTAGTATATTCTACCCCTGCTCGTTTCTGGTACTGGATTCCCCAAATATGGACTTCCTATTTGGTCTGG
ATATGCTACGGAAACACCAGTGTATTATTGATTTGAAGGAGAATGTTTTGAGAGTGGGTGGAAGGAGAAGTC
TCTGTACCCTTTTGAAGAGAAAGACATTCCTCTTCTCTTTGATGAAGAAAGGCTCTCAAAGGAAGCCTC
TAGCTCTGGAGCGCCAGTGGCTTCATCCCCAACAGAGAACAGCAGAAATGCAACAGCTGCCCCAGCTACAGG
AAATGTTGGGGGAGCAGCCAGGGTCCGGAATTTGAAGCCAAAGTAGCAAAGCTAGTTGAATTGGGATTCCA
AAGAGAGGCAGTAATACAAGCTCTCAAATATTTGATGGAAATGAAGAACAGGCAGCTGGGTTTCTTTTGG
ATGAGTAATCTGCATACAAAATATTTGTAGTCCATTTCTTTGTGGATTATCTGTTTTCGATTTCTTTTTCAATTA

TCAATTTAATCCACAAACATTCATCTGCTTGCTATTCAAATTTTAACTTATATTTAAACAATGTTTATGTTAAAC
CAAAAGTTTAAACATTATAATGTTATAATGGATATTTTAAAGGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_99 GU124691|Populus tremula x Populus tremuloides heterotrophic ferredoxin NADP+
oxidoreductase mRNA, complete cds

ATCTAATTCCTTCCCTTGCTGACTTACTTCACTTCTGGGTATGATCCACCATTTCCTATAAGAAGCATTATCTTC
GACAACTTTAAAATCGCTTCCTTCCTCATACACGGCCTCTGCAATTCGGAAATGGCCCACTCTACCTTTTCTCAG
GTTGCTGTTGCTGTTCCAGTTGGAAGCGATTTGTCTGTTAAGAGATCAGTGTTCAAGACAAGTAGCCTAAACTT
CCATGATAAGCCATGGTCACCTGTCATAGCCCTGAACTTGAGCCTGAGGGGCACTCGGGCAAGAGGTTGGCA
AAGGCAAACAGTATGCATGTCAGTGCAGCAAGCAAGTGCACCAAAGGTATCTGTTGCTCCTTTAGACCTCGAG
GATGCTAAAGAGCCTCCATTGAATTTGTACAAACCAAAGAACCTTATACCGCAACTATTGTTTCGGTTGAAAG
ACTTGTTGGTCCCAAAGCACCGGGAGAGACTTGCCATATTGTTATCGATCATGGTGGCAATGTCCCCTATTGG
GAAGGTCAGAGCTATGGTGTTATTCTCCAGGTGAAAACCCAAAGAAACCGGGGAGTCCACACAATGTTCCGG
CTCTACTCAATTGCATCAACTAGGTATGGAGATTCTTTGATGGCAAGACTGCTAGTTTATGTGTTCCGCCGGGC
CGTTTATTATGACACTGAAACTGGAAAGGAGGATCCTTCAAAGAACGGAATATGCAGCAATTATTTATGCAAC
TCAAAGCCTGGAGATAAAGTTCTGATCACAGGTCCATCGGGCAAGATAATGCTTCTTCCCGAAGACAACCCAA
ATGCCACCCACATAATGATTGCTACCGGCACTGGCGTCGCTCCATTTAGAGGTTATCTCCGTCGAATGTTTCATG
GAGTCTGTACCGACATTCAAATTTGGTGGCCTTGCTTGGCTTTTTCTAGGAGTGGCAAACACTGACAGTCTTTT
ATATGACGATGAATTCAGCAAGTATCTCAAGGACTATCCAGATAACTTCCGCTACGATCGAGCTCTTAGCAGG
GAGCAAAAGAACAAGAGTGGAGGAAAAATGTATGTCCAGGACAAGATCGAAGAGTACAGTGATGAGATCTT
TAAACTCTTGGATGGCGGAGCTCACATATACTTCTGCGGATTGAAAGGGATGATGCCTGGAATTCAGGACACA
CTGAAAAAGGTTGCAGAGCAAAGGGGTGAGAAATGGGAAGAGAACTTTCACAGCTTAAAAAGAACAACA
GTGGCATGTTGAAGTTTACTGAAGTGTTGTTGCATAGAAACGTCTACGTTGATGTCTGCTTAAAAGATGTAGC
AGCACATGATCTCTTGTGTTACTCTTGCATTGCTCATCTTCAACTTCAAAGGTTAAGATGACGAATAA
GGTGGCCACAGTTATTGATACTCAGATTTGTCTTAATTGAACTACAGGAACCTTGCTGAGATTTTTTTTCTCTT
GCGTAAGGAACCTATTACAGCACCTTAATCTGTGAGTATTGTTGCTTGGAAATGGAATAAATTCATTTTAGAAT
CCAAGTCAAAGATTATCAAGTTTCTCGTGTAGGAGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_100 AY093136|Arabidopsis thaliana 26S proteasome subunit-like protein (At5g45620)
mRNA, complete cds

ATTCTTTTCTTTGAGAACAAGAAAAAGAAACAGAGGAAGAGGCAGAAATTATATAAATTGGATTCTCTTTTTT
CTTTCTTTTCCCTCTTCGAAAATCCATAGCCGGAGCAGCCATGGCCGCTTTACAGTACCTCGATTCCCTTCGTAA
CTCGCATCCTGAGCTTGCTGAATGGTACAACACCCTCGCAGATCTGTACCAGAAGAAGCTTTGGCATCAGCTC
ACGCTCAAGCTCGAGCAATTCGTCGCTCTGACCGTCTTCAGGCTGGTGATGCACTGATTCAAGTTGTATCATAA
CTTCATCACTGATTTTGAGACCAAAATCAATCTTCTCAAGCTTGACATTTTGCTGTGATTGTCTCACGTCAATA
TGCGGAGAAGGAAGCCGCCATTAGTTATCTTGAAGGGATAATTGAGAACTAAGGAGTACTAAAGAGCAGC
GCATAGAGGAGCCTATCCTCTATATTAAGATGCAAATAGCTATTTTAACTTGAGCAAGGTGACCGAAAAGA
GTGCAAGAACTATTGGAAGATGGAAGAGCACTCTTGACAGCATGACGGACATTGATCCATCTGTTTATGCT
AGCTATTATTGGGTTTCATCTCAATTTTACAAGTTCGCCAAGAATTTGCTGAGTTCTATAAAAGCGCTCTTCTT
TATCTAGCATACCTCAGTGGAATCACTGTCAGACTCATTTAAATTGGATTGTCATTTGATTTATCTCTTTCT
GCACTTCTGGGAGACAACATCTACAACCTTGGAGAGCTTCTTGGACATCCTATTATCAAAAGCTTGCTGGGCAC
AAAGGTCGAGTGGCTTTACTACATTCTCAGGCATTCAATTCTGGTGACCCAGTTCGCTATCAAGAACTATGCC

AAGTCCATAACGCAGCTTTAAGGGCCCAACCAGCTCTAGTTGAGAATGAGAAGAACTATTAGAGAAAATCA
ACATCCTCTGCCTCATGGAAATTATCTTCAGCCGGCCGTCTGAAGACCGAACCATTCCATTGAAGGTTATAGCA
GAGCGGACAAAACCTTTCTATAGAGGATGTGGAGCATCTACTAATGAAGAGTCTCTGTCCACCTTATAGAGG
GTATAATTGATCAAGTCGAGGAAACGGTACACGTTTCCTGGGTGCAACCTAGGGTTCTGGGCATTCAACAGAT
CAAGTCCCTGCGAGACCGGCTGGACAATTGGGTGGATAAAGTGCATTTCGACTTTGCTCTCAGTCGAGGCCGA
GACCCCTGATCTAGTTGCATCATAATCCTCTTCATTTTCATCTCTAAACAATTTAGCCGAGGGACAAAACAAAAG
CCAGGAGAACTACTGCCGATCCTCTATATGATGATTTTCATTTGCTGGCTGGCTGGCTGGTTTTGAAGCTGTC
TTTTCATCTTGCCTACTGCTTTCTTGAACATTTTCTAGGAAGCAGAAGCCTCTACTTCAGTCTAGTTAGTTTTAA
AAGTGAGCATGGATTGGAGGAGTTGGAATGGACTTAAGTGGGTATTAGACTTCCTTCTGTATTTGTTTTACTTT
TGTTGCATACAATTGAGTTTTGGTGTGCTCCATGGAATCGATTTTCATGATTAAGTTTAAATCTTA

>trans_s_101 XM_002887704|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATGGH1, mRNA

GAGAGAGAGAGAGATAACATTTTCGGCTTCACTGATCAGAGTCATCATCTTCAACGCTTCACCAATATAATAA
GCTTCCATGAATTCATCAATGGCATTCTTCATCGTCTCCTTCTCTGTCTTACTCCCACTTCCTCGCTCTCACA
CTTTACTTGAACAACTCCCCTCATAATGTTCAAAAAAGTGTTGGCTTCAAGCCCACCATTTCTGAACACCCCTT
TTCTCCGGCTTCCGTTTCCCTCTTCAAATACACATGGGTTTTCTTCTAATCATCATCTCCCTCAAATTTAGCCTC
GTTACGCTGTTTCATCCGTACCCCAACATCATCTTACCGTCTCAATCTGTCCTTGACTCGTCGCCCTCTTGACA
GCAATGGATCCACGTTGAATTACCGGCCGGTGATCGGAATCCTTAGCCATCCTGGCGATGGTGCTTCCGGTA
GATTAAGCAACGCGACGAATGCGTCTTACATAGCTGCTTCGTATGTCAAGTTTGTGCAATCGGCTGGAGCAAG
AGTTATTCCGCTTATATATAACGAGCCGCTTGAGGTTATTTTCGAGAAGCTTAGTTTGGTCAATGGAGTGCTCT
TCACTGGAGGATGGGCTAAAAAGGGTTTATACTATCTTGTTGCTGAGAAGATTTTAAAGAAAATGTTGGAGAG
GAATGATGCTGGGGATCGTTTCCCTTTATATGGCGTTTGCTGGGTTTTGAAATCCTAAGCATGATCATCAGCA
AGAATAGGAACATTCTTGAACCATTTAATGCATCGTATATGGCATCCACACTTCAATTTGTGGACAATGTAAAT
ATTCAAGGAACAGTCTTCCAAAGATTTCCACATTATTTGCTGGAGAAGTTGAGTACAGATTGTATTGTTTTCCA
AAACCATCTTTATGGTATCTCGCCAGAGAGATTTGCACATAATGAAGAATTGTCCAGATTTTTTCAGATATTGA
CAACTAGTAGTGACAAAGACAATAAGGTCTATGTCTCGTCTGTACAAGCTTGGGATTATCCTGTGACTGCATTT
CAATGGCATCCGGAGAAAAACGCATTTGAGTGGGGCTACTCCGTGATTCCGCACACAGAGCATGCGATTGAA
GTGACACAACATGTTGCCAACTACTTAGTCAGTGAGGCCAGAAAATCATCGAACAGACCACCTGCACAGAAG
GTTATTGAAAATCTCATCTACAACATATAGCCCAACTTTTGGTGGCAAGGCTGGGAAAGGATTTGATGAAGTTT
ACATATTCACATAGAAAACTCCAGCTACCTGATCAAATGTACAACCTGCCATCTGTCTAGTGGAATTGAATTGT
TGTACTATTACATTGAGAAGTGATTATTTTCATTGAGAAAGAAAATTAGAAAATTGGCAACACTTAGTTATGT
AACTTCTAGCATGTATCCCACCATCTTAGTTTCCACGCTTTGAATAATTGTTGAGACTGCTCAGATGATTAATCT
GATTCAAATTTGCTTTTGTGTTAGGCTTTTCTTCTATGCCAATTTGAAAATAGTTTAAATGGCTAGCCTATTTTCTA
AAATTAAGTAAAATTAATTCATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_102 XM_002888391|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin carboxyl-terminal
hydrolase family 1 protein, mRNA

TCTACATTAATTTCCGAAAAGAAATGGAAGAGAAAAAAAAAACCTCGGCAGCCCAGCAGCCCTAATCTATTCA
CCGTGTTCCACGCCATCTCCTCTGTTTAGCAGCTCAGTGTACCGCTATCTCCCTACTGTTCACTGTTGCCG
CCGGAGCCTCCCTCATAGCGAGTTTACATTTATTTCTACCCTTGATTGTTACCGCGTTTGAATCGTCATGTCTT
GGTGCACAATTGAGTCTGATCCCGGTGTCTTACGGAGCTTATTCAACAGATGCAAGTTAAAGGTGTTCAAGT
TGAAGAGTTGTAATCGTTGGATCTCCACTCTCTTAACAATATGAGGCCTATATATGGTTTGATATTTCTATTCAA
ATGGCGTCCAGGGGACAAAGATGATCGTCTTGTTATTAAGGATCCTAACCCAAATTTATTTTTGCGAGTCAG
GTAATTAACAATGCTTGTGCAACTCAAGCAACCTTGCTATTCTGATGAATTGTCCCGATATTGACATTGGCCC

AGAGCTATCCAAGTTGAAGGATTTCTACTAAGAACTTCCCACCTGAACTCAAAGGTTTGGCTATTAATAATAGTG
AAGCTATACGTACGGCCCAACAATAGTTTTGCAAGGCCAGAACCCTTCGTTCTGATGAGCAAAAAGCTTCTAG
CAAGGATGATGATGTGTACCATTTTATAAGCTACTTACCTATCGACGGGGTACTTTATGAACTTGATGGGTAA
AGGATGGACCTATTAGCCATGGCCCTTGCCAGGCAGCCACGGAGACCTTGAGTGGCTGAAGATGGTTCAAC
CTGTGATTCAAGAACGCATTGAAAGGTAAGCTCAAAGACTGAAATAAGATTCAACCTCATGGCCATAATTAAGAA
TCGAAAAGAGATGTATACTGTTGAGCTTAAGGAGCTCCAGAAGAAGAGAGAGCGCATTTTGCAGCAGTTAGC
CTTGCAATCAGAAACACTGTTGGAGAATAGCAATAATGAATTTTTGAACAAATCGCTATCAGAAGTAAATGCT
GGGATTGAGAGTGCTACAGAGAAAATCTTGATGGAAGAGGAAAACTCAAGAAGCGGACAACACTGAAATAT
CAGAAGGAAGCACAATTACATACCCTTTTTGTTCAACTTCCTAAAGATTCTTGCGGAAAAAAAACAGTTGAAAC
CCCTTATCGAGAAGGCTAAGCAGAAAACTGGTGGCCCTAGGTGAAGCTTGCTTTGGGTTACTCTTGTAATAT
CGTTGATATGTAGCTTACCTTTTTGGTGTCTTACCCTACACAATAGATAATCTAATCTTTTTCAACCCCTCGTCT
TTGGTGTCACTCTGCACAAGAATCTTTTATTTGTTGCAATATACACTTGATGATCTTCATGCTTAACTTTGGA
TAAAGAAAAGACTACACTTCTTTGTTCTGAATCCATATTCCATATACATATCACTATCTTTGTATATGTTCA
GGTTTAGATGAGTGAGAATGTTGAATAATCAAAAGTAGAAAAAGGATGAAGGAGCCAACAAAAAATTGTATG
AATGGCCTCTTTAGGGGGCCCACTGTAGTTTGGTCGACAAAAA

>trans_s_103 AY108117|Zea mays PC0082212 mRNA sequence

AACTAAGGGAAAGAAAAATAAAAGAAAAAGGAAAAAGAGGAAGAGGTTCACTTCACGTTGAGCTGCCCCCTAC
GGTTTCACTGCCATCTTATCCGGCGACGGCGAACGTCTACGTGCGGCGGCCTGACACTAGATCTGTGGGTTG
AATCCACCTGCTGTAATCGACGAACGACGAACAGTACGCCGGAACGCCGCTCCTCAGTCGGCCCTGTTATT
TTTCTGTTTCGAGCTACAGCAGTGAAGTCTGGCGGACGTTTCGATCCTAGCGATTATAGTTTAGAGATACTCA
TGTATCGTAAGCTTCAGCAACGCGTTCTCACTGATCGGTGGCCTTCAAACGACACTCCAGCACTGTGCCGCTC
GCGCTCGACCTCTCCCAGCGAACCAGGGGCTTCATCGGCGGAGACTCCTCCGGTAGTGGAATCCCCAACG
CCCACGGCTCGATCGACTCTGGATCTGATTACCCCACTTCATTTTGGCGGCAAATCTGTGAGTTGGAAGGATTT
TGGACACTGTTTCAAGCAAGATTAAGAGGCTTTTGAACGAGTTTCGTAGGGACTTCCAAGGGCCCTGTTCTTAAG
AATTAGGGAATCATGATTGGAGTTGGGAAGATCAAGCAATATTCTAATGTCCTCGAAAGACCTCTCAGCAAGG
GAAAACAGGAGGTGAGCTTGAGTGCTTTGCACTTCTGTTCTCCGAACTTGTCGAATACAATCAGACTCAAGTT
GACAATATTGCTGAGTTAGAACGAAGGTTGGAAGATGCGGGCTATGCAGTTGGTGCTCGAGTATTGGAAGTT
TTTTGTCACCGAGAGAAGGATTTTATTTTGGTTNAAAACACATTGATAGATACTCTAATCCTTTGGTCTAGGA
TGGGAAATAGACGGGAGACACGATTATTAGGCATTCTCTATTGTACACAGCACAATTTGGAAGGTTTTGTT
TGGAAAGGTTGCTGACTCACTTGAGAAAGGCACTGAACATGAAGATGAGTACATGATCAGTGAAAAGGAGCT
GCTTGTGAATAGATTTATTTCAATTCCAAAAGACATGGGTGCGTTTAACTGCGGAGCTTTTGTGCTGGCATAG
TCAGAGGTGTGCTGGACAATGCTGGATTTCCCGCTGTTGTAAACGGCACATTTTGTCCGGTGGAGGGCCAACA
GCGACCACGGACGACTATTTTGATTAAATTTGCAGAAGAGGTATTAGCAAGAGAAGCAAGATTAGGTTGATA
TATGGTTTGAAGTAAGAAGCTTGGGTATTGTTCTTATGCTTTTAGCATTTTGATATTGGAGAATGGTGAATTC
TTTTTGCCATTGAACAAATAGATAATTTACCTCATATATCTCTGTTGTGGAGCTGTAAGGAAATTTGTGCTCT
TCGATTAATCTGTATAATTGATGGCACAATTACTTTGTTGCGAGAAAAATGAGCTGTGAACTATAAGATTTT
GAAGTTGTATATGGGCTTCAAATGGTTTTATTGAGCATAAATGTGAACCGAACCAAAATCAAACCTCCCAATT
TCTTTTTTCGTTAAATCCATCAGTCATTATCCTGTTATGTCAAAAAA

>trans_s_104 AY124881|Arabidopsis thaliana AT4g00720/F6N23_11 mRNA, complete cds

AAGAGCATTGCTTCTGGTCGGAAGTTCATTTCTTCTGATCCTGGTGGAGATTTTGGCATAAAGCGGGCAAAAG
TTGATCTAGAACTGAACGAAAGGTTGGTGGAGTTTCTAATGATGTCGGAAGGGGTGCCTCTGGTTTAGAGC
TGGATTCCGCTTCAACTTCTTTGGATAATGCTGCGAGCACATCAAACATTCATCAATAGCTGGAGCAGAGAA

>trans_s_105 AF249675|Olea europaea beta-1,3-glucanase-like protein (OLE9) mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_106 X71609|N.tabacum mRNA for ras-related GTP-binding protein

AAATAAAAAGAGGGGTGTTTGCTTCCAAGAAAGGCATCTGCTCTATTGTTTGCTTTGCTTTGCTTTTCATCTTT
CTTAACCCTTTTTCTCCCGTCAACGCCTGTTCTTTCATAATTCTCTTCGATCTTTGCCTTGATTGCGGTTTACGGC
CATGGCCACCAGCGGAAACAAGAACATTAATGCCAAATTAGTGCTTCTTGGTGATGTTGGTGCTGGGAAGTCA
AGTCTAGTGTTGCGTTTTGTAAAGGGCAATTTGTAGAGTTTCAGGAATCAACAATTGGTGCTGCCTTTTTCTC
TCAAACATTAGCTGTAAATGATGCCACTGTGAAATTTGAAATCTGGGATACAGCTGGGCAGGAGAGATACCA
CAGTTTGGCTCCAATGTATTACAGGGGTGCAGCTGCAGCTATTATCGTCTATGATATTACTAACCAAGGTTTCAT
TTGATCGTGCAAAAAAATGGGTTCAAGAACTTCAGGCACAAGGCAATCCAAATATGGTCATGGCTTTAGCTGG
GAATAATCAGATTTGTTGGATTCTAGGAAGGTTGCTGCAGAGGATGCTCAAACATATGCACAGGAGAATGG
CCTTTTCTTCATGGAAACCTCTGCAAAAAGTGCTGCTAATGTCAATGATATTTTCTATGAAATAGCAAAGAGAT
TGCCACGAGTGCAACCAGTACAGAATGCACCCGGGATGGTTCTGGACAGACCTGCTGAAAGGGTTGCGAGCA
CATCATGTTGCTCGTAGAACTTGTTTCGTCAATCAGTTTTAAGGTGTCAGCAGCTTGCTCTTCATTTGTATGAAG
AATTCTAAAAGGAAAGAAAAAAAGGAAAAAGAAAGAAAATGGAAGCAAGGTTGTTGATGATGAATGGGATT
TATTATGTGTAAATTGACTGTTGTTTTTAGATGATATGCTTATTTTGCAGCCACAAGAAAAGTGGCAAGACTAC
TTTGTTGTTTATATATGACCATTGTGCTTGCTTCACATCCACACTTATCCATACTCAAAGCCACTCCCTCACTACAT
GAAACACAGGCTCTGTGAATGTGAGTAGTTGTTAACTCCTTTTGTTAATGAAGTTTTCTATATTTGATGTGATT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCACCCCCAAAAAATTTAAAAAACCC
CCCCACCCCGGGGGGGGCCCCCGCCCCCATCCCCCAAAAAGAGGCCCAAAACCCGGCCCCCGGGCCCC
CTTTTTAAAAACCCGGAAGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCCAATTAATCCCCTTTGAACAAACCCCCCTTTTC
CCCGGGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCATCCCCCTTCCCAAAAATTTCCAACCCAAAAAGGAAAA
GGAACCCCCCCTAAACCCCAATTAACCCCGGGGGGGGGGGGTTAACCCCAACGGTACCCCTACATTG
CCCGGCCCAAAGCCCCCTCCTTTTCTTTTTTCCCTTTTTTTTCCCCCCTTCCCCGGTTTCCC

>trans_s_107 XM_002866338|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPDX2/EMB2407/PDX2, mRNA

[illegible]

AAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATCAACCCCCCCCCACCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCA
ATCCCCCAAAAGGGGGTTTATTTACCCCCCCCCGGGCCCTTTTTTAAACCCCGGGGGGGGAAAAACCC
GGGGGTTCCCAATTTAAACCCCTTGGGCCACCCCCCTTTCCCCGTGGGGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_108 AJ313093|Beta vulgaris mRNA for salt tolerance protein 2 (sato2 gene)

ACTGGCTAGGGTTTTCTTCTTTCATCCAATCCTTCTATTTCTCTGACGCTCACACTCTTTTCTCCTCCTTAGCTCA
ATCCTTTCCCTTTGATTTTTTATACCTTTTCTTTATCTTCAATCCTTCTTGCTTCTTCATGGATCTCACTCATCTCT
GAGAAGTTTTCTTTCTGGGGTCCGTTTTTCACTTTGCAGTTCGTCTGCTGGGTGTCATTTGCAAGTTCTAGGT
TGAACGGATATGGCAACCATGAACCCCTTTGATCTCTTGGTCGACGACGACAACGAGGACCCTAATCAGCTTG
CTTCCGCTCAGCGCTCCGCTCCTGCGCTCCCTCTAAGAAAGCCCCTGCTCCGGCTCAGCCTGCCAAACCGGT
AAGCTTCCTTCCAAGCCCCCTCCCTCCTGCTCAGGCTGTAAGGGAGTCAAAGAATGAAAATAGCCGTGGTGGTC
GTGGTGGCGGACGTGGCTTTGGGCGAGGACGCGGTGGTGGTGGTGGAGGATTCAACAGAGACTCAGCCAAC
AATGAAAATAGTGGCAGGAATGGATTCTCTGATCGTTACCAGACACCTGAAGATGGTGAAAAGGCAGCTGAA
AGGCGTGGTTATGGTGCTCCCCGCGGATCTTCCGTGGTCTCGTCGAGGAGGCTTTAGCAATGGTGAAGCTG
AAGAAGGGGAACGACCCCGAAGAGTATATGAACGCCGGAGTGGAAGTGGGCGTGGAACGAGTTTAAGCG
CGATGGGGCTGGTCGTAGGAACTGGGGTGACCTGGTGATGAAAATGCCCGGATGTGGAAGAGCCTGTTG
CTGAAAATGAGAAGAATGTTGCTCCAGAGCAACAATTGGGAGAGGATGGAGTTGATGATAACAACAAAGCC
GAGGAGGCTGTGCAGGAACCAGAAGAGAAGGAGCCTGAGGATAAGGAGATGACCCTCAAAGAGTATGAGA
AGCTCCGTGAAGAGAGTAGGAACTGCTGGCAAAGACTGAGGTGAGGAAGGCCGAGGTGGATGAGGAATT
AGAGAACATGCAGCAGCTTTCAGCAAGAAGACCAATGATGAAATATTTGCTAAATTGGGTACTGATAAGGA
TAAGCACAAGGATGTTGCTGACAAGGAGGAGAGAGCTAAGAAATCTGTGACTATTACTGAGTTCCTGAAACC
TGCGGAAGGTGAGAGGTACTACAACCCTGGCGGTCTGTTAGAGGCCGTGGGCGAGGCTCTAGAGGTGGGT
TCAATAACGGAAGCAACAGAATGAATGTGGCAGCTCCCTCCATTGAGGATCCCGGGCAGTTTCCTTCGTTGAG
TGCCAAGTGAGAATTTTACCACTTAAAAAATGGCCCCTATTTTGTCACTACATTTTAAAGTTTTCTTGAGATAAT
CAGATCAGGATTTTTGAGTTACAATTACCAACAGGATTCTGAGACTCCCTCTCTAATGCTCTGCTATGTAGTGT
AAATCTTGATGTTATGGTCTTGAATGGTCGTAAGTTATGCATCAATTTTGATTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_109 NM_001066640|Oryza sativa Japonica Group Os07g0581300 (Os07g0581300)
mRNA, complete cds

ACTTCACAATACCTGCTACTCCTTCACTTCCTGCCGTAATTGGTGTATCCGATACTGTAATTGAAGATCGTTTTG
GCGTTGAACATGGTACTGATGAGTGGTTTGAGGCATTGGATGATCATTTTAAATGGCTTCTTCAATATAGAAT
CAGTCCATATTTCTGCAGATGGGGTGTATGGCATGCGTGTTTAACTTACACCTGCCCCTGGCCAGCTGATCATC
CAAAGTCAGATGAATATTTTTCGGACCCACGACTATCAGCTTATGCTGTACCATATAGAGCAGTCTTTGGTGGT
GATGCGGCAAAAGATTACTTGCAAAGAGAAGTTGAGATATTGAGGACAAAGACGCACTGGAAGAAAGCTTAT
TTTTACCTGTGGGATGAGCCATTGAATATGGAACATTTTGATTCTGTTTCGAGTATGTCTAGCGAGATTCGTGC
TTATGCTCCTGATGCTCGTGTATTGACAACATACTATTGTGGACCCAGTGATGCACCTCTTGCACCTACTACGTT
TGAAGCATTTGTGAAGGTTCCAAGTTTCTTGCGCCACATACACAAATTTATTGCACAAGTGAATGGGTGCTTG
GTAATCGAGAGGATCTGGTCAAGGATATAATTGCTGAATTACAACCAGAGAAGGGTGAGGAATGGTGGACA
TATGTCTGCATGGGACCAGGTGATCCCCATCAAATTGGCACCTTGGTATGCGAGGTACCCAACATCGTGCTG
TCATGTGGCGTGTATGGAAAGAAGGCGGGACTGGATTTCTTTATTGGGGTGCAAAGTGTATGAGAAGGCAA
TGTTTCCGAGTGACAGAGATAAGATTGAGGCGAGGCCTACCTCCTGGAGATGGAGTGCTTTTCTACCCTGGGG
AGGTTTTCTCATCTTCACATGAGCCAGTTGCTTCAGTAAGACTAGAGCGTCTTCTAGCGGTTTGAGGACATT

GAATATCTGAAGCTTTATGCATCAAGATATGGTAGGGACGAGGGGGTTGCTCTTTTGGAGAAAACCTGGAGTC
TATCAAGGACCTGAACGATACTCACGATCACATGCCAGTTGATCTAATGCGGGGTGAAGTCTTCAACTTAT
GTCGATCATAATATGATTGCCTGTTAAAATACAGTGGAATCGTAGATTTCCAGGCGGGAGTTCTTAGTCGA
GGACACGTCAAATACTTGGAGATGAGAGATTCTTGACACGTTTGGATCTGACTTGAATATTTCTTTTGAAGC
CCTTTTGAAGTGAGGTAACTTTCTCGGTTATTGTACAATATCTGCAACATTATTTCTTTCTCAAGTAGCTAGTC
AATATTGAACAACCCTGTGCAAAGAACATGCGTATAAAATATTAGATTTAGGCAGTAGTAACCTGCACGATCG
TGCATGATGATGAAGTTCTGTTGTTTTTCCCCCTCCTTGGTAGCATTATAGCTACCCCTTTCTAGCTACGGTAG
TCATAGTCCTACTTTAAGTTCTAAGATTGTGGTGTTTTGCTTGAGTTTCAGTGTATTATCCTTTCCCTTTATTGA
ATAAAAGGTTAAATAATACTTCTCCATCCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_110 XM_002314153|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAGTGCATGCGATTCTCCACCTTGGTTTTCTAAAGACACATCAAAAAATTTTGCTTTATAAAAAGATATCA
ATCCCTTCTCCCATGGATTTCTTCTGTTCCAATCTATTTAGATCCTCCTCCAATTGGCATCATCAGCAATCAA
ATCATCATCATCATCCTCAGATAAGTAATAGTGATGGATCTCCTCAACATCAACACCTTCTTTCATTACCAA
CTCAACAACCTCTCGTCCGCACCATCGTCCCATGTCGGTGTGGGTGTTGGTGTTGGCTCGATCCGGCGTGGTTC
GATGGCGGACCGAGCTCGGATGGCTAACGTACCACTACCAGAGACGGCGCTAAAGTGTCTCGATGTGATTC
TACCAATACGAAGTTTTGTTATTTAATAACTATAGTCTCTCGCAGCCTCGCCACTTTTGTAAAGAGTTGCCGACG
ATATTGGACTCGTGGGGGTGCCCTAAGGAACGTCCCGGTTGGGGTGGCTGTGCGAGGAATAAGAAGAATA
AAACTAGACGATCGAAGTCTCCAACGGCGGCAGCGACGATGGCGGGTGGAATGAAAGTCAAGTGATGAAT
AACAATTCAAACCTCTCTACTACTGCTACAATTCCCTTGCATAGTAGTGCTGAGAATCTTATTGGTCATTTACAG
CCTCAACACCCTCACCTTTCATTATGCTTGGCTTGAATAATTTTCTCGATTGCGGACATCAAGTTTAGGGTTG
AATTTCAACGAGATCCAGACTCAAACAAACATCGGTAACGGTGCCCTTCTGAATCATCATCCGTGGCGGA
GTTCCCAAACTTCTCTCTCAGGTGGCCTAGAAACCCCGCCAGGGTGTACCCGTTTCAAATTAGCGGCGGC
GACAACACAACAAATTCAATCCTAACACCAATTTCAAGGGGAACCCATTTGCCTCCAGTGAAGAATGAAGAAA
CCCAAGTACTGAATTTGGTGAAATCATCAAATTTGGGTATCAATAATTCTGAAAACAATCAATTTTGGAGCAAT
GCATCAAATGGTTGGACAGATCTTTCAGCTATCAGTTCTACTTCAAGTGGCCATATTTCTTGAGCTTCAATCAT
TAAAAGCCCCAAATTGATCAGATCATCATCTTCAAATGGCATCTCTCAGCTCACATCTTGTAGTAAGTTTGT
TTATATATATCAACTTAATTATTACCAAGATTTAAATGGTCAAGTGATTTAATGCAAAATTTATTAATTAAGT
TGAACAAATAAAGAAAACAAAAAAGAAGAAGTAAAAGCCCTCACTTGATCAATTAAATCTTTATTAATTAA
GCTACTTAGATCTTATAGAAAAAATCATATATTATAACACAAAATATCCCAGGCACTCTTCTACCTCTCTTCAG
CCTCTTTGATCAACGCTCAGAACTGAATCTCCACGGTAGCTAGTTTGTGCTCTCTTTATTTACCTTTTTTATT
TATACAAAAAGAGTGCTTTGTAGAAATATTGTTTTTTTTCTATTTCAATTTCTTTTTCAGAATGTGTGTGACTA
TGATTTGCTAATGTTTGTGGATTTAAATGGAAGAGTATTGTTTGAAA

>trans_s_111 AB007907|Glycine max mRNA for 6-phosphogluconate dehydrogenase, complete
cds

CATCTTTTTCACAACCCCGGATCTCTAATTCTTGGGAATTTGCCTCTTCTCGATCCATTTCACCGTAATTGAAA
AATATTCAGCAGGTAACACATGGCTGCTCCAGGAAAGCTTACAAGGATTGGTCTTGCTGGTTTGGCTGTAAT
GGGTCAAACTTAGCTCTCAACATTGCAGAAAAAGGCTTCCCTATTTCCGTATATAACCGAACAACCTCCAAAG
TAGATGAAACGGTTGAACGAGCAAAAGCTGAAGGAAACCTTCTCTATGGCTTCATGATCCTGAATCTTTT
GTACAATCAATTCAGAAACCTCGTGTCAATCATGCTTGTTAAAGCCGGGGCTCCAGTTGACCAAACCATTA
AACCTCTCTGCTTACTTGGAGAAAGGTGATTGTATTATTGATGGTGGAATGAATGGTATGAGAACACTGAA
AGGAGAGAGAAAGCCATGGCTGAATTAGGTCTGCTCTACCTTGGAATGGGAGTTTCAGGGGGTGAAGAAGG
TGCTAGGAATGGTCTTCTTTGATGCCTGGAGGATCTTATGAGGCCTTAAGAACATTGAGGACATTCTTGTTA

AGGTTGCAGCCCAAGTTCCCGATAGCGGTCCCTGTGTGACTTACATTGGCAAAGGTGGATCAGGTAATTTTGT
GAAGATGATCCACAATGGAATAGAATATGGTGATACGCAGCTGATTGCAGAAGCTTATGATGTTTTGAAATCT
GTGGGGAAGCTATCAAATGAGGAACTTCACCAAGTTTTCTCAGAATGGAACAAAGGCGAGCTTCTAAGTTTTCT
TGATTGAAATCACTGCAGATATCTTCAGCATCAAGGACGACAAAGCCGATGGCTATTTAGTTGACAAAGTTTT
GGACAAGACCGGTATGAAGGGTACCGGTAAATGGACTGTTTCAGCAAGCTGCTGACCTCTCAGTTGCTGTCCCT
ACCATTGCTTCTTCTCTTGATGCAAGGTTCTTAGTGGTTTGAAAGAAGAGAGGGTCTGAAGCAGCAAAAGTCT
TTGGATCAGGTCTTAATGATGTCTTGGCTCCTCAAGAAGTCGATAAAGCAAAGTTGATCGATGACGTGAGACA
AGCTCTTTATGCATCCAAATATGCAGCTATGCTCAAGGCATGAATTTGATCCGTGCCAAGAGTATTGAGAAG
GGATGGGATTTGAAGTTGGGTGAACTTGCCCGGATTTGGAAGGGAGGTTGTATCATCCGAGCCATATTTCTC
GATAGAATCAAGAGGGCCTATGATCGTAAACCCGATCTAGCCAATCTTCTTGTTGGATACAGAATTTGCTAAGG
AAATAATGGAACGACAGTCAGCTTGCCAAAGAGTTGTATGTTTGGCCATCAACTCAGGCATCAGCACCCAG
GAATGTCCTCCAGTCTCGCTTACTTCGACAGCTACCGGAGGGAGAGATTGCCCGCTAACTTGGTCCAAGCTCA
AAGAGACTATTTTGGTGCCCATACATATGAAAGAACTGATGTTGAAGGATCTTCCATACCGAATGGTTCAAG
ATCGCCAAACAGCTTAAGAACTGAATGTATTCATTGCCATAATCCCGAAAGTAGGACAGGTTTTTCATT

>trans_s_112 NM_111257|Arabidopsis thaliana ATAPRL5 (APR-like 5) (ATAPRL5) mRNA, complete cds

TTTTTTTTGGATATTTTAAGATTAATCAGCAAAGTCTCAGCTGGATGGATGTTTAAGGGAAATACTGTAATGGG
TAATTTGATTTGACTTTTTTGGAGCTTCAAAAATCGTACCTTTATTTGGAACTTTAAAGAACAGAAAACCCAAA
ATAATCCACAAAAAGGAGATCGAATCAGTTCTATCGGTTGGATTTTCAACAAAAACCTCCACCGCTGCCGCC
GCCGCCACCTCCCAACGGCCACCGTATGACCCAGATAAAGAAGATCGAAGCACACCCCTTTTTTTAGAACTT
GAGGAAACAAAACAATCTTTAACCCCACTTTTTTGGGGGTGTTTGTCTGTTCTATCACTTTTTTTTTTTTGTGTTGA
TTTTTCATTTCTGATTTATCCCTAGTTTTTCTTATCGATTCTCTGTAATACCCTTGTTTCTTCTCCTCTTCATCGG
TTTTGTGGTTTAATCTCTTCTTCAAACATGGCTGCCTTTTCTTTTTGTCTATTTTCTTGCCATTTGCTCTTTAGG
GTTTGTGTCTTCAACATCTCTTCTAGATCTTCAATTTGCCCCAAAGAATCTGATTTCTTCTCTATGGTGTTTGA
TCTCAATGCCCTTCTCTGCTGTTCCAGCTCGCCTTGCAGGTGGATGGGGATTACATTGATAGGACTTTGAC
TTCTTATAAGAAGATCGGCTACACCTCTGTGTTCTTTTATGCGTCATGGTGTCCATTTTCTCTCCATTTGCGCCAC
ACATTTGAAACTCTCAGTTTCTTGTTCCTCAAATGGAACACTTGGTGGTTGAACAATCTCCACACTACAAAAT
GTACTCTCAAAATATGGGGTCCACAGCTTCCCATCTATATTGCTGGTCAATGGGACATCACGTGTTCCGGTATCG
TGGTCGAAAAAATATACTTTCATTTGTTCTGCTTCTATAGCCGAATAACAGGATTAAACCAATCCCGTACTATA
ACAACGCCGAGTTAGTTACTATCGAGAGTGTTGGAAGGCCATTATCCAAGTGGCAAAGTCTTCTCACCACAA
CAACATATTGAAGAGTGATCCACTGTTGGCTTTCTCCTTTGTATTCTGTCTGTTCTCGTGTAGCAATGTTCAAATT
ACCACACGTCCTGCACCAGCTGAACAATCTTTGTAGATCTTGCATACCTCATCTAACTTGGAATATTTGGCG
AAACACGACAATAATGGGGCGCATTCTTCAAATGCTCGATATCAGAAGGGCGTGGGCCAAGCTAAGGCTAT
ACAAGACAAAGAACATCCACAAGGGAGCAAGGAATGCACGTGTTTGGGCATCGTCTTTGGCATCTGTCTCGTT
GGGTGAATCCTCGTCTTCGAGATCAACTTAGGTTCACTCAAACCTTGTAATAATGGAAATTGCAGCTTTTGATG
ATAGAACCATCCTACTTTCTGATGAAACACAAGTATTTTCTTGCTATTAGAAGTAATGGAGAGTAGTAGTTAG
GCTTTTTTGATTCTCTCTGAAGGCATGTATAAATTGTTTCTTTTATATTTGTATAATTAATAATATTACACATT
GCACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_113 XM_002876427|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATMBF1B/MBF1B, mRNA

AAGCTATCTAGACATTTTATATCCTCCGATTAGAAACCTAATTCAGATTCTCCGTATTACCCACCCTGGAACA
TCTTTGAAACGCGAAAAGGTGACCCGAAGAACTTGAAATGGCTGGGATCGGACCACTTTCACAGGACTGGG
AACCGGTTGTCATCAGGAAGAAGGCCCCAACGCCGCCGAAAGAAGGATGAGAAAGCTGTTAATGCTGCAC

>trans_s_114 DQ306835|Hevea brasiliensis isolate SSH106 mRNA sequence

AGAGATAAACCTTCCCGTATTAGCCGCAAACAAACACAAACCTTCTCTCTCGGTAATCTCAACTCCGTTTTTCGG
ATTATATATATAAATCCTTCATATCCCACTCTTCTTCTGTCAATTTCTACACCTTCGCTGTCTTCTCCACCATTG
ACTCTTTCTTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCACTTTTCTTTTTCGTTTCTCCGAATTCCGGCCGGTTGGGTGGTGGGAT
TGGATTTGATTTTGTGTCTTGGGGACTGAGATCTGTTCTTGATTCAAGAGGAAGGATTAAGGATGAGTTA
TTATAATCAAGGTCAGCCTCCGATTGGAGTGCCTCCTCCTCAAGGTTATCCACCAGAAGGTTATCCGAAGGAT
GCTTATCCGCCGCCTGGATATCCGCCGCAGGGGTATCCTCCTCCTGGTGCTTATCCGCCGCAGGGATATCCTCC
GCCTTACGCTCCTCAATACGCTCAACCTCCTCCTCAACAGCAAAGTAGCGGTCCTGGTTGCTTGAAGGCTGTT
TGGCTGCGTTGTGCTGTTGCTGCTTGCTTGACGCCTGCTTTGAAGAGAACCAATTTGTAATGTGGCTGTGCCT
TTCGGACATTTCCCTAAAGAAAAAAAAAATTAATGAACAAAATATTTGGAACAGTATTGGATTGTCAATG
ATTTGGGCCTTCGTTGTGAAGCTTTTTTAAATTCCTTGCGTTTATTAATTATTATGTAGTCTAGTGTTTGTGTT
TCTTCTTCTCTTTTAAATTTTTCTTATATAAATAACCACCATCTCCTCTCTTACTCTCTTTTTTGGGTCTCGAC
CCAATATTTGTCTGCTCCATTCATTAATGGCATTCTCTGAATCATCTCTGTTATTCACCTATGGTTTTAACCCTT
CCTTCTTATAAAAAATAATCCCTCTTTTTTCTGTTTCATGCTTCATGGAAGCACAGATATTGGTTCAGTCGATCT
TTTTAACTAGAAAAATCAATTGAAACCAAACCAAGAAGAGTATACATAGGAAGAAAATATTGGAAGGTTGA
CGGGAAGTAAGAAAAGTGAGGTACAAATTATTATAGGGTATGTATGTTGGGAAAAATAGAAATATTTAGTCC
CAATTTTGAGTTCTGAACTAGTAAAAGATACCCATTCTAAGCAAAGTGAAAGAAAATTGGAAGTAGAAAAAA
GGAGACCAAAAATCGATTTCAATTGGCTTGGTTATTCTTTAAAAATAGAATCAACTTTAATCTCTACATACTCTTTC
CCGAAAACATAACATTTAATTAATAATCTTAAAAGGTTATTTTGATAGCGAACAGACAAAAAAAATGAAAA
TAAAAATTGTATATTGGTATTTGGTGGTTAGAAGCACTTTTGGCCGTGCGCGACCCGTCGGTGGAGGGTATTG
TGGGATTGAATGTTACATTGGTGGCTCCACAGCAAAAAGTCTCAATTGCTGGCCTCTCATGTCCCACTCATATGA
ATTTCAACACTACCGCCACCTTCTTTTTAACCATTTTGTTGTATATTTCTAGATAAGTAATTTAGTCTTTATACT
TTTCTTTTTTTTAAATCTCAAAAAATACTATGAAAG

>trans_s_115 NM_001036355|Arabidopsis thaliana glycosyl hydrolase family 17 protein
(AT2G27500) mRNA, complete cds

ATTTTACTCCCCGGCGATTTTTCTATTTGCTGATTCACGGCCGTGCCGGAGGCGGACCCGACGGTACGGTGGT
GTTTTGTCGCTTTGGCCTTATCTTTTCAATCCTTTATGGCTAACTTCCACCGACTCTTTCGAGTTCTGTTGATGCT
TTTCACTTTTTCAGGTTCAAGTAATTCGAACACTGAGCGTTGGAGTTGGAATTAAGTATGGCCAGATCGCTAATA
ATCTGCCGTCTCCATCGCGCGTGGCTATTCTTCTCCAAAGTTTAAACATCAGTAGAGTAAACTTTACGATGCA
GATCCTAATGTTCTGTTTGCACTTCCAGGAGTGAAGTAAATTTCAATTATAGGGCTTGGTAATGAGTATCTCCA
GAACATGTCTGATCCTCAGAAAGCCCTAGCTTGGGTTCAACAACATGTTCAAACACACATCTCACAAACAAAA
ATTACTTGCATCACTGTTGGCAATGAAGTTTTCAACTCTAATGATAGCCAATTAAGGTCTAATCTTCTTCTGCA
ATGCAATCTGTTTATAATGCGCTTGTTAATCTTGGGCTGGATAAACAGGTTTCTGTTACCACGGCTCATTCTCTT
AACATATTAGGCAACTCTTCCCTCCGTCGGCTGGAACATTCAGCCGGATCTCGCTGAATACCTACAACCGAT
TCTCAATTTCCACTCCATGGTCAAGTCACCTTTTCTATAAATGCATATCCTTTTTTGCATACAAGGATAATCCT
ACCCAAGTTCCCTTAGAATATGTGCTGTTCCAGCCTAACCAAGGAATGACTGATCCCATTACAAATTTGCATTA
TGACAATATGTTGTATGCTCAAATCGATGCGGTTTATGCTGCCATCAAAGCCATGGGGCATAACAGATATCCGG
GTTCAAGATTTCTGAAACTGGTTGGCCATCTCGAGGCGATCCGAATGAGGTTGGTGCTACGCCAGAGAATGCA
GGGTTGTATAATGGTAATTTGCTAAGAAGAATAGAGAGTGGAACAAGGAACCCAGCAAAACCATCGGTTCTT
ATCGATATCTATGTTTTCGCTCTATTTAATGAGGATTTGAAGCCTGGTCCAGCATCTGAGAGAACTATGGTCT
TTACTATCCTGATGGCACACCAGTTTATAACATTGGATTGCAGGGGTATCTCCAGAATTGTTATATTCATCGTC
CAAAAGGAATGTTTTCTCAGTTTTAAGTTTGCTTCTGATATTCATAGCGTATGGAATCTACACTTAGAGGTATA
CCGAGTAATTGATAGAAATTCTTATTCATAGCACGAGGAGTCTTATAGAGGAGAGTCCATACAGATCACTTTC
AGCTGCTGCACTTAACCAACCATCTGTATTGTATATTTACTTCGTATCCCACACCGATTTGGTTCATTGGATGAA
TTTTTTTGTAGTTTAACACATCAATAAAGTATTAATTATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_116 XM_002867281|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WD-40 repeat protein family,
mRNA

ATGAACTTTAGTAATAATAAAATACCCCTAAACCTAATATGGCCGGACCGGCGTCTCAAAAAGTTAAATTCCGA
CATCATTATCATTTCAATCAAGCTCCCCTAATAAACCTAACAATGGCGATCCTTAGTCCCCAACAGCAACCTC
AAATCCACAGGTTCCCGCAATTCAAGTATGTTGATGGTGTTGTTGGCTTCCACCACTCTCCGCATTTACCCGG
TTTGCCGTAATTGCCCTTTTCGACTCTGATTTTGACTCATCTCCATTGAAATCACTCCTTGACTCAAAATCCAC
TGGATATAGCTCCTCATTGACATGGGTTTCAACATCAAGAGTATCTTCACTTAAACCTCTCAACTCCACCAAA
ACCTCTTGTTTTGCTTCGACTTATACAGGTTCTTTCATGTTTTATCTGTGAGCCAATGGAAGCGTCGCTCG
ACTCGGAGCTTTCGGTGCCGGAGAAGATGTTGCACGACGGACCTATTTATGTGTGATGTGATGGATAGTG
GAGGTGAGTGCCTGACTGTTTCGGAAGATGGACGGGTGAATTTGGTGAGCGTTGGGGAATCTGGATTGAATT
ATCGTCGGATATTTGATAGTAATGGGTTGGTGTCGTATAACGCGGTGAAATGGGCATCACCTACTGAGTTTGT
GACTGGTGGTTGTGGGTTTAGCTTGCAATGGTGGGATCAGAGGAAGCCCGGTGGAGCTGTTTCTCAGTTTAA
GGCCGATTGGGCGTCTGGTATAGTTCACTGCATTGATATCCATCCATCGCGAAAGCATACTTGTTTGGGGGCT
CTTTTGGTACTGTCTTTCCTGGGATTTGAGGTCACAACAGCAGCCTATCATTCTTCGGGTCTAGAAGGGACC
AAAACATCAAATCCTTCGCCATGTGAAAGTGAGGTTTGGGAGGTTCACTATGATCCTTATATTAAGTCTGGCA
ATCTAGGTGGCATGTCATCTACACAGATTTTACCTGCTATGATCTGCTCTGAGGACGGGATTCTAACAAAGTATT
GAGCAAGGCAAGGAGCCTGTGGAAGTCTGGCAGAACCATGTGCAATTAATGGTTTCGACATTGACCGTCAA
CATCCATCAGAAGTAATATGTAAGTGGAGCGGGAATCCGATGCCATCCTCGCAAGATCTTGATTTTCAGAATC
AGAAGTCATCGTTTTTCTAAATTCAGGTTCCAATCCACTATATAAATTCCTTTAACAATTTAAGAAGTATCCTT

AGCTTTCTATCTTCTTAGCTTTCTGTCTTCCATTGAGTGCATGCAATTTCTTAGTTTTAGGCTCATGTAAATTTGG
CTGTAGCTTTGTTTGTGTACCACATAATTGGAACCTCAATTTTGATATGAATTTTCTTACTGGTCAGAGACCATAT
TAGGGGGATATTTATGATGTTGTTTTGATTGTATTTATATGTATTTAACCTGTTCTCCATTCAACTCCTCAGCT
TGTCGCTTTCACTTTTAATTTTTTATACCAAATAGAATAACTTTTTCTCCAATATAATTTTACACAATGTAAAT
ACTTAATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_117 AF196289|Medicago sativa subsp. x varia Ser/Thr specific protein phosphatase 2A B
regulatory subunit beta isoform mRNA, complete cds

ATTCCATCACTACGTCTACAAGTGGTAACTAGCCACGAGTCAAGCCTTCTTGCTAGATGTCGTAGGGTATATGC
CCATGCTCATGATTATCATATCAACTCTATCTCAAATAACAGTGATGGTGAACTTTTATATCGGCTGATGACCT
GCGGATAAATCTATGGAACCTGGAAATTAGCAATCAAAGTTTCAACATTGTTGATGTGAAGCCTGCTAACATG
GAAGATTTAACTGAGGTGATTACATCTGCCGAGTTTACCCTACACATTGTAACATGCTAGCATATAGCAGTTC
AAAAGGATCAATCCGCCTTGTGATCTGCGGCAATCAGCATTATGTGATTCTCATGCCAAATTATTTGAGGAGC
CTGAGGCACCTGGTTCTAGATCGTTTTTACAGAGATAATTGCTTCAATCTCGGACATTAAATTTGGGACAAAT
GGAAGACATATATTAAGTCGTGATTACATGACTCTTAAGTTATGGGACATCAACATGGATTCTGGTCCCGTTGC
AACCTTCCAAGTTCATGAATATTTAAGACCCAAGCTTTGTGATTGTATGAAAATGATTCAATCTTTGATAAGTT
TGAGTGTTGTTTGAAGTGGCGATGGATTGCGTGTAACACGGGTTCTACAGCAATTTATCCGAGTTTTTGGTT
GTTCTCCGGGAAGCACCGAGGCAACAACCTTTGGAAGCTAGCAAAAACCCAAGTGGAGACAAGTGCAGACCC
CTTCAAGACCTTCTAGATCACTTAGTAGTAGCTTTACAAGAGTTGTGAGACGAGGTGGATCTGATAGCCCAGG
GGTTGATGCAAATGGCAACCCATTTGATTTCACTAAAGTCTGCTGCATCTAGCATGGCATCCGGCTGAAAAT
TCAATTGCCTGTGCTGCCGAAACAGCTTGTACATGTATTATGCATAAGAAGAGGAGCTGAGAATCAAATGAC
ATCATCTGCTTAACCGTTTTGACTTTTGTGCGTAAAAGTACTATCCTTCTCATCAACCCTTAATCACCGAAGCT
ATATTTATCGACTTCCACATGCCTCCAATATCGGTGCATACTTCTATTACTGCAGGGGTCAAATTTCCACAAGA
AAAAAGAACATTGTTTATGTTCTCAGGTGGGCAACATTCTTTTTCTTCTTCTTCAACCCTATAATTATCTT
TTTATTTCTCCATAATCCTTTCTTGTCTCCAAAAGAGAAGAGATTTAGTTCTGTTCCATATTTTGTGGGTTGA
AGTTGGGGAATCCTGATCGTAGCTCCCCTGCAACTAACTACTGAAGTGTGTTGCTCAATATCTTCTTCCACT
AGGTTTCGAGATTAACAAATGTAGTTCATTTAGTTAACTTCTAAAAGTTTCGGTGGGAAGAAGCTGTTAAATCTT
GCAGTACATCAAATTATTTTTTCAATTGATTCATTGCTCACTCAGAAATTACAACATCGGGATGTTTTTCTTCTC
TTCATAATTTATTACTGTAGTTTTATGTAAAGAACAGTTACATTGAATGTAGCATATATATCTATGAATATTTT
GCATGCCCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_118 XM_002882568|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat
family protein, mRNA

GACGATTCTGAAATTTGTACTTCACTTCACATTCATCTATCATCTTCATTTACTTAGGGCTTCTTCAATTCTTG
AACGGCTATGGCGAAAGATGGTCCCAACTGGGATGGGTTGCTCAAATGGAGTCTCGCTCACTCCGACGGAAC
TCGCCCTAATCGTAATCTCAGCGAGGAGGACCGGAGATGGTTTATGGAAGCAATGCAAGCTCAGAGTGTTGA
TGTTGTCAAGCGCATGAAAGAGATAACTCAAGTGATGCAGACTCCTGAGCAAGTCTTGGAGGCTCAAGGTGT
TGGTTCAGAGGATATTGAAGATATGCTTGATGAGCTACAAGAGCATGTTGAGTCGATTGACATGGCCAATGA
CCTTCACTCTATTGGTGGGCTGCATCCTTCTCGGATATCTCAAGAATTTCCATGCAAATATTCGAGCCAAAG
CTGCAGAAAGTTGTGACCACTATTGTTCAAATAATCCACGAAGTCAGCAACTGGTGATGGAATTGAATGGTTT
AGAGTCGCTTCTTGAACCTTACTTCGACCCCTGATGTCATTGCTCGGACCAAGGCTCTTGGTGCTATATCCTC
TTTAATCCGACACAACAAACCTGGTATTGCTGCATTCCGACTTGCAAATGGTTATGCTGGCCTGAGAGATGCTC
TTGGCTCCGAGAGTGTAAGATTTCAAAGGAAAGCCCTTAACCTGATCCATTACCTGCTGCATGAAAATACTTCA
GACTGCAACATAGTGAACGAGCTAGGATCCCTCGAATTATGCTACACCTGCATCCAGCGATGATGCTGAGG

TACGGGAAGCTGCTCTTCGTGGCCTTCTTGAACCTGCCAAGGACAAGACAGGTGAGAATGGTGGAGGGTTAG
GTGAAGACGACGACAAGTTAAAGAACTTCTTGAGGAACGGATAAAGGATATCAGTTTATTGTCACCTGAAG
ATCTTGGGGCAGCTAAGGAAGAAAGGCAGCTTGTTGATTACTCTGGAACACCTGCTACAAAGAATCATCATC
TCTCCGTGAAAAGGGTCTTCTGTTCTTCTGAGAGGATGCACCACCTCCAGATGTTGCTAGTAAGCATTGTTG
AACCTCCTCTGAGAGCTTGGTCGGGAAGGCCTCCGGCTGATACAAGTCCTAAACTGAAAAGAAAGAAGCTC
CTTTATTGCTGGGCTTAGGTCTGCACCTGCACCTGCACCTGCACCTGAGGCTCGAGATGTTACTTCCAGTTCT
GCAGCGAATACGAATGAAGATCCAACCTTCATAACTTAGGCTGTAAATTTACTAATTTCTACACCTGTTCAATGG
TTTTGCTTTCTCTCTTTCTCTCTGGCTAGAAGACCGTCATGGTTGAACCTACACAACAACCAAGGCTGTTGAT
GTCAAAAACACCAAAAAGGTAGCAGCCTCACAACCTCCCTCCTCTGTAGTCAAGGGTGTAAATGTAGATTTATGC
CATCTTTGAGATATTTATTACCAATTTCAATGCGATGGAATTCTATTTTGTGATAAATTGGATTGAGAATGAAA
AGCTCAGATACTGTGGAAGTAGAAAGAATGTCAGACTAGAGCGTCGGCTAGATATT

>trans_s_119 AF202182|Glycine max 2'-hydroxy isoflavone/dihydroflavonol reductase homolog
(DFR1) mRNA, partial cds

ATTAATTTTCATCATCCGACTTTGGTTTCCAAATACCATAGTTTAGACGTCTTGTCTTTTCGATCGGACTGTCA
AAGCCATAAACATCCGCTTATTACTGCAAATCTGTTTTGTCATCGTCGAAAACAACGAACTGTATTTGATTCAA
CCATTAGCCCTGTTCCCAAATCCGAAATAGCTGTTTCTAACAGAATAGTTCTTTGAAGTGTTTTTTTACATAT
ATTTAATCTCTTGGGGGTGGGATTATGCCATTTACAAATCGTTTATACACAGAGTAGAAATCGAGAGAAATGG
AAAGTGCGGCGAAGGGGAAAGTTTGTGTAAGTGGAGGTACTGGATTTGTAGCTTCATGGCTGATCAAGAAGC
TTCTTGAAATGGCTACTCTGTCACTACCACTGTTAGAGCCGACCCAGAGAAGAGAAAAGACTACAGCTTCTT
GACAAATCTACCCGGAGCATCAGAAAAGCTGCAAATATACCAGGCTGATCTTCACGACCCGAACAGCTTTGCT
CCTGCCATTGCAGGTTGCATTGGAGTCTTTCATCTTGCTACCCCAATTGATGTGGATGACAAAGAACCTGTGGA
ATCGTTGACGAGACGAACGATTGAAGGAACATTGGGCATCCTTAACTTTCTGTAGATTGAAAACAGTAAGG
CGAGTTGTATACACTTCCAGTGCGGCCACCATGCAGTTTAAATCACCATAAAGTAGACTTCTTGGATGAGAACT
GTTGGAGTGACATTGATTATATCAATAATATTGCACCGTTGGGAAGATCATACCCGATTTCCAAGACTTTAACC
GAGAAAGCAGTTCTCGAGTTCTCTCAGCAATATGGATTAGAAGTTGTCACTGTCTTCCAACGTATGTCGTCGG
TCCCTTCATTTGTCCTAAAATCCCGGCTCTGTTGATGTGATACTGTCTCTGATATTAGGTAATGAAACAGAGTA
TGGATTGATCTTGAAATCAAACATGGTGCATGTGGATGATGTGGCAAGAGCACACATTTATCTATTTGAACAT
CCGAGTGCAAGTGGGCGATATGTTTGTTCTTCTACATAATCACATTGGAAGAATTGGCTAACTTCTTTTCTGC
CAAGTACCCAGAATTCAGATACCATCTCCTGAGTCTTTGAAAGATGTCAAAGGCTACATATTCACTGATGTCT
CATCAAAGAAGCTTTTGGATGCTGGTTTTCAATACAAGTATGGTATCGAAGAAATGCTTGATGGAGCAATCGA
AAGCTGCAAAGAGAAGGGTTATCTCTAGCTCGTGTTTTTGTATTATTATATATGAAACAAAGGAGAAGTAAAC
ATGGAAATAATGTTGATCAAAGTTCTTGATTGCAAAGTTTGATGTGGTTAATTTCTATAGGCGCTTTGGATGAT
ACAAAATTTGTATGTTACAATTGGCTTTGAAGTAGTACCTATTTCTGTTTAGCATAGTCTGTTTTCTTCTGAAAA
CATACGTATTTTTATTAGTGATGGGTTCTGAAGCATGGAAGTGTGTGTAAGTTCGAATTTATTTTATACTGATC
CTCAGTCTTTGAAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_120 EF447217|Solanum chacoense ovule receptor-like kinase 28 (ORK28) mRNA,
complete cds

AGACCATTGACGGATATTGAAAAGCTCGACAATCAACCCTTGCAACCTCTTAAATGACTGCGGCACAAGAAA
CAAAATCGGAAGATTCTTCTCCACATTTTATCCAACATCATTTGACACTCCTGCTGCAATTAATCTTAAACCC
CACCTATTGATCGTCAAAAATCATTTGACGAAGATAACTTTTCAAACGAGCCCCAGTCAAGAAGGCTAGTGC
TGCAGTTTCTATTAATGTAAAGTCGTATTCAATAGCAGACCTTCAAATGGCGACAGGCAGCTTTAATGTTGATA
ATCTTCTGGTGAGGGATCGTTTCGGACGCGTATATCGGGCTGAGTTCGATGATGGAAAGTTCTTGCCGTGAA

AAAAATAAATCCATCTACACTACCTCGGGAATTATCCGAAGATTTCACTGATATTGTTTCTAAAGTCTCCCAATT
ACACCATCCCAATATAACTGAACTTGTGCGTTATTGTTTCAGAGCATGGGCAGCATTTGCTTGTGTACGAGTTCC
ATAGAAATGGCTCGCTTTACGACGTCTTACATCTATCACTATCAGATGAATACAACAAACCTCTGATATGGAAT
TTACGTGTTAAGATTGCTCTGGGAACAGCGCGCATTAGAGTATCTTCACGAAGTTTGCTCCCCATCGATCGT
TCATAGAAACATCAAATCTGCTAACATATTACTGGATGCCGAACCTCAGCCCCATCTTTCTGATTCTGGCCTGG
AAAGCTTTATACCAAATACAGATCAGGCATTGGATGGGAGTGGAAGTTCAGGATACACTGCGCCGGAGGTTA
CCATGTCGGGCCAATATACTCTAAAAAGTGATGTGTATAGTTTTGGAGTAGTCATGTTGGAAGTCTGACTGG
ACGAAAACCATTTGATAGTTCAAGGCCAAGGTCGGAGCAATCTTTGGTTTCGATGGGCAACACCTCAGCTTCAT
GACATCGATGCTTTAACCAAGATGGTTGATCCCGAACTCAAAGGCCTTTATCCCGTTAAATCTCTCTCCCGATT
GCAGATGTAATTGCATTTGCGTTCAGACGGAACCTGAGTTTAGACCTCCAATGTCGGAGGTGGTCGAGGCGT
TGGTCCGCTTGGTGCAACGAGCAAACATGAGTAAGAGAACATATGGAAGCGACAACGCAACCTCTCCAGAG
GGGAGATGGGGTGGAGAGGACACACCATAAACAAAGACAAAAGTTTGATCCGTAAGCCCCAAAATCTCTCT
TCGTTACCTTCTCCTTGAGATTACTTCTTCTTCATATTTAAATGGGGTGGAAACCAAGGAATTGCGATGGT
AATTAATAATGTATGTCTGTTAATATTACATGTCTGGTCTTTTAGGTCTTTTTCATACTCCATAGGCTTTTACTT
TTTCTTTTAGTATTTTGATAGAAGAAAAAAGAAAGACTTCATTTCAACATACGTATATTTGAAGAAATA
ATTGGCGAGTTTCGGTTTTTACTTTGTATGAACGTTTTGTTTGCTTTGATGATCAATTTATTATTTATTATTG
TTTGAAATTTGTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_121 NM_106035|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT1G73760) mRNA, complete cds

AAAAAGTTTGATTAACTAAAGTTTATTAAGTTTTATGCTTTTCTCTCTTTCAACTCAATTTCACTTCCACTCTAT
TCCCTTTGTTTCACTTTCTTTCTAAAAGCCTTTGTTTTTGTTCCTTCTTCCATTCAATTCCTTTCTTCTTGTCT
TATTCTTCTTCTCCTTCTCCTTCAGGTCGTCCTTACATTCTAATCCTTGTTTAAACATCATGCCTGTTGTTACAG
TTGGTGAACACATGAAATTGAGAAGACCCAGAAGTGATTTGAGCCATTTGAACCAACCCATTTCAGAATCAGA
TCCGAACCCATCAATTCTTCTATAATTCAATCCACTCGTTGCAAATCCACCATTCTTCTCTTCTTCTCTACTT
TTTCCAATAATACAACCAAGTGGCCCCAATGAGTCTTACCCTCATCCATTATCACCACCAATAGGAAGAAGAAC
AATTTCTTCTGCAACTCTCCGGGTCTCGGTTGTACCACCGCGCTTCTCAACAAGTATCTGTTCCGGCTGTA
ATTCGAACCTTCAGCGGATTGGGAGAATAAGAAGACGAGGAAAAAAGCAGAAAAAGCTCTAAGAACAAAAC
CCAACAAGGAGTTCTTGATGCTTCTCATTTTCAACCCAATTCGAGTATGAACTCTGCTAGCTGTTTAGACGCTCA
AGATGTTTGGTGTGGCCCTGGAATTGGATTCTCAGCAGATGCGGCTGCTTCTGTGGATTGTGTTGTTGCTAGA
AGACATGCTTCTGGAAGAGGAAAAATCGATTTGGAGAAGATTAATCAGAGGGAGCGTTCTTGTTTAGGAAGG
CGAACAGTGAGCCCCGAGACCCTCTTATTTTTGGATTCTGATTCTGATCTTCCAAGTCTCGATCATTGGAAGT
ATCTAGGACTCGGTATTATCGCCATGTTTCGTCATCCATCCCCTGATGGCCTTGCTGAGATCATGATGTTTCAGA
GCAGTTTGCTAATGGGTGGAAGGTTTCGATCTACACGACCAATTTAGAGAATTACGACTTGATGTGGATAACAT
GTCGTATGAGGAGCTGCTTGAACCTTGGCGAAAGGATCGGCCATGTCAGTACCGGATTGAAAGAAGATGAGAT
AGGAAGATGTATTAGAAAAACGAAACCCCTGTAGTGAATGAGCTAACAACTCATTTACTATCTCAAATGGAT
AGGAAATGCAGCATATGTCAGGAGGACTATGAGGCAGATGATGAAATGGGTAAGCTGGAATGTGGGCACAG
CTACCATATACACTGTATAAAACAGTGGCTTGACAGAGAATAACGTGCCCGGTCTGTAAGACAGCAGCAGTG
GGCCGAAGTTGAACGGTTAGTCCATCACGTCTAGCAGTTCTTCGACTCTGTCTGCTTCTCTCCCTATGTG
GTGTATAGATTTCAATGCCTTTTACATGAGCAAAAGCATTCGTTCAATTTGTGTGAAGCTTCCCTATCTGCATAT
TTAGATATGATGGGCGCCATCTTCTGTTCTTTCAGTCTCTAAACATTTTCATGTGATGGTAATTTTGGATTGACT
TGATTGCATAGCTTTAAGAACCTAAAGTACAATGTCTT

>trans_s_122 AY052716|Arabidopsis thaliana AT5g01340/T1008_50 mRNA, complete cds

GAGCTCCAGCCTTTTCTTCCACGGCTGCCATTAACGTCGCATCTGTAAGCTTCGTGGTGTTGTATTACCCACG
AGCTGTAAGCAATTAGAAAAGTATCGAGCATAAAATCCCCAAAATGGCGGTTGAGCTTCAGTAACAACACAAT
ACGAGTGGAAGGTGAACGAGGAAAGAGCGACGATCGAGGGTTTTAGAGAGTGGA AAAATGGAGAATCAGG
AAGCTCGTCGGTCAATAATGAACTGAGTTCGACGAAGAAATCGATTCTCCGTACATGAAGGCGCTCTCTGG
TTCTCTCGGAGGGGTAATGGAGGCTTGTTGTCTACAGCCGATTGATGTTATCAAGACTAGGTTGCAGCTCGAT
CGGAGCGGGGCGTACAAGGGGATTATTCATTGTGGAACACGGTTACGCGAACGGAAGGAGTTTCGAGCTCTT
TGGAAGGGGACTGACTCCCTTCGCTACGCATCTGACGTTGAAATATGCGCTTCGTATGGGGTCCAATGCGGTAC
TTCAGACCGCGTTTAAGGATTCTGAAACTGGAAACTCAGCAATCATGCTCGTCTGATTCTGGATTTCGGTGCC
GGGTTTTTGAGGCTCTCGTCATTGTTACTCCATTTGAGGTGGTGAAAATTAGATTGCAGCAGCAGAAAGGAC
TGAGTCCTGAGCTCCTCAAGTACAAGGGTCCAGTGCACTGTGCTCGAATGATTATTCGAGAAGAAGGCCTCCT
AGGACTTTTGGGCAGGTGCTGCCCCAACTGTTATGCGCAATGGTACAAACCAGGCTGCCATGTTTACTGCAAA
GAATGCTTTTTGATATTGTTCTTTTGAACAGGCACGAAGGAGATGGAAACGTCCTCCAGCCATGGCAGTCGA
TGGTATCAGGATTCCTAGCAGGCACAGCGGGCCCTTTGTGCACCGGACCTTTTGATGTTGTGAAAACCTAGGCT
AATGGCCCAGAGCCGAAGCACAGGTGAACTCAAGTACAAAGGCATGTTCCATGCTATCAGAACTATATACGC
AGAAGAGGGGACTTTTTGCTTTATGGAAAGGGCTGCTGCCTCGACTCATGAGAATTCCACCAGGCCAGGCCATT
GTGTGGGCTGTGGCCGATCAAATCATTGGCTTGATGAGAGAAGGCATCTTCAAGATGCTCCCATATAAATAC
TAGGCACATTTTTGGCACCGTTTTACAAAGAGTCCACAACAGGCACCACTTGCTCAAGATCTATTCAATGGAT
TGCACTACCGTGTCTCGACTTCTGAAGTCCACACCTAACCAAATGGACTCCTTTATTGTCTCTTATTGTCCCTT
ATTGCACGCTTCATTTTCTGTCTGTTTCAACCATCGTCCAAATAACCAAAACACTTTGCGCCTCATGACATC
AAATGGATCAAGTTAGGAGACATAGCAAAGTACTTTTAGACCGATAGCTCCTTTGAAATTTACCGCCTGAGTT
GTGCTTATTCTTTAGTCACAATTCTTGGATTCTTGGGAGTATCCAGACTTTATTGTTGTTAGATGTTTTGTACTC
AATAACATAATTCCTTGTACGCCTTGATCCGGTAAACATTGTTATCCCAAGGCAC

>trans_s_123 NM_124710|Arabidopsis thaliana myosin heavy chain-related (AT5G53310) mRNA,
complete cds

TTGATATTGACAAAAAATGGCTTCGTTTCACCAAAGGGGCAGTGACGGCAATTTCTCGTTTAGAAGTCGAGGG
GTTTCGAGAGGGGGAACCTCTTCTTCGCTTAGTCCCAACTTCGACGATAACGATGGACTCCAGATCCCGGAG
GCGGGTCTCATCGACGACCGATCCCAGCTTCCGGAGCTGTGGAACGACCGGATGTTGCCGGACCCGACGA
CGATGTGCAAGGATTGAAATCCGACCCTCCGATGGGAATGTGACTGAAGATCAGGAGCCCTTCATGGGCAT
CAAGGTCCGTCGAAAAGCCTCTCTTCATCGTGATTACAAGGGGGATTACATCGACGTGCCCTCGAATCAATTCT
TGATGAAAATCTGCAAAAACAAGGTGAACAGAGTGTGCTTTTTGCAGATAAAGTCTTGAAGTTCACTGCTTC
TGGAAGATGAAAAGGCGGATTCTTTAATAACAGAGTTCGCCATCTATATCATTGACCCAGAACTGATACC
CTTAAAAGGAGGATAGCCCTGGCTGCTGTAGATAAGATATGTTTAAGCGAACTAAGTGATAACTTCTTTACAA
TTGTGATTCCAACCGAATATGACATACTGATGGCAAGTACTCGGAAAACGGAGATTGTTACAGTTTTGGTTGA
AGCCTTTAAGAGTTCATCTGATTATGAACTTGAGGTTGTATTCTCCAACAGGTTTGCATACAATGCCGGAGGCG
AACTGATAAAAGAAATTCTGTTTGAAGGAGTCGAAGGTGGTGTGAAAACAAGAATTTTGAAGGAAGCAGGAG
TGAGTTATGATTGTTTTATCGGTACGTTTCTGATGGCAGTTCGGATATTTCTTTTCTTTTAGAAGTTAAAGATT
GCTAGTGGGTACTCTGCTTGGTCATTTTGCAGCTGATCAAATTGAAGAGTTGTGTCCCTATATCTAAATGCAAA
GTTTTAGAATATATTTGTAGTTGTCTTTAAGTATTGATTATTGTATTTGTTTCATTGTACAAAACCTAGACTCATGA
TCTTTGGATTCTGAATTTGTAGATTCTTGAAGTGTGTAATCTGTATATGAATCAGAAATCGTTGTGGAAATGG
ATTGAAAGTTGTATCGAAAAA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCGCCCTCAAAAATTTATCAATCCCCC
ACCCCCGGGGGGGGCCCCGACCCATTCCCCCTATAGGGATCCTTATTACCCCCCTCCTGGCCCTTCTTTTT
ACACCTTCTGGCCGGGAAAACCTTGGTTTTCCCATTTTATTCCCTTGCACCACTCCCCCTTTCCCCCTTTGG
CTAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCCATTTCCCTTTCCAACATTTCCCACCTAAATGGCAAAGGGAACCCCC

TTGTACCGCCCCCTTTAACCGCGCCGGGGGGGGGGTTTACCCCAAGCGGGCCCGTTACTTTTGCCACCCCCTTA
CCCCCGCTCTTTTCGTTTTCTTCTTTCTTTCTCGCAACTTTCCCCGGTT

>trans_s_124 AJ577852|Nicotiana tabacum partial mRNA for villin 1 (vln1 gene)

ATCCCCACTTATATGCATTTTCATTCAATAGAGGAAAGTTCCAGGTAGAGGAAATTTACAATTTCTCTCAAGAT
GATCTGTTGACAGAGGATATCTTGATACTTGACACTCAAGCCGAAGTGTTTATATGGGTTGGTCAATCCGTTG
ACCCCAAAGAAAAGCAAAATGCTTGGGAAATTGGTCAGAAATATGTGGAGATGGCTGCTTCTCTAGAGGGAT
TGTCTCCTAATGTGCCGTTATACAAAATCTCTGAAGGAAATGAACCATGCTTCTTCAACATACTTTTCATGG
GATTACACTAAGGCTGTTGTTCAAGGGAACCTATTCCAAAAAAGGTGACTTTACTCTTCGGCATTGGACATAT
TGTGGAGGAAAAGTGAATGGGAACAGGGAGGAGGACCAACACAGAGAGCTTCAGCTTTAGCTGCTTTATC
GTCTGCGTTTAATCCATCTGCAGATAAATCCACCCACTTGAGTCCAGATAAGTCCAATGGTTCTAGCCAGGGAA
GTGGTCCTAGGCAAAGAGCTGAGGCTCTAGCTGCCTTGACCTCTGCTTTTAAGTCGTCGCCTCCGAAGACATC
TAGTGCATCAAGAGTATCGGGCAGAGGGGAAGGGCTCACAAAGGGCAGCAGCAGTGGCTGCTCTTTCATCTGT
TCTGACTGCTGAAAAGAAAAGGGCAATGATTCCTCTCCTCCTCTAACAGCAGTCCCCCACCAGAGAGTAAC
GTTCCAGGGGCAGCTGAAGAAAAGAATGATGTCTCCAACAAATAGAGAGTAGTCCTGAAGAAGTCTTGAT
CTTAAGGAGCCAGAGGAAACCTCTCCTGTATTGAAAAACAATCATGACGATGCAGATGTAAATCAAGATAGTC
TGCAGGAGGAGAATGGTGATGATAACAATCTGTCTGTGTTTAGTTACGATCGACTGAAAGCCAAATCTGATAA
TCCTGTGACTGGAATTGATTTCAAAAAGAGAGAGGCCTATCTCTCTGATGAAGAGTTCCAAACTGTATTTGGA
ACAACTAAAGAAGCCTTCTACAAGTTGCCAAAATGGAAGCAAGACATGCAGAAAAAGAAAGCCGATTTGTTC
TAATGAATGAATCTATATTGAACGAGAACATTACTACTCTAAGGTTCAAATATATATTTTCTCATCTATTTTGT
TTCGACTTTCCCGTAAAGACACTGCTACTTGTGTATCTTGGTCGGGCTCGAAATCTGTTGGCATTGATATT
GCCATTGATGAACATAGTCATAGATATTGTCATTCAATTGTGCTGCTGCCTGAAGAGTGTTTTTTTTTCTTTCT
TTCCCTTTTCATTTTCATTCTACATTTATCTCTTGGTCATTGTTGCTGGTATGTAATGTTCAAGAGTTGTAGTT
TACAAAACCAGCCAGCCAATTCTTTCATTTGGTCCTCTAGTAGTTTATTTGCGAGTTTCGCCTACTGTGCTCGT
TTTCATTTGCTAGTAGTTGCGGGTTGTATATTAAACGATTATGTTGTATGCCATCTATTTCATACAAGGAATG
ACATATTTTTGTGGATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_125 NM_121565|Arabidopsis thaliana proteasome family protein (AT5G15610) mRNA,
complete cds

AATAATCAATCTTTAGTCTCCTCTTCTTCCATCTTTACGATCTTCTCCGCTGCGTCAATCGGCCGCTCGTCTTCT
CTTCCACCTTTTCTTCCATCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT
GATGAACATCTGAATCATCTAATTCTCATAAATGGCTTTGCGCCACAACGAAAGAAAAAGGGGTACAGCG
ATCCCATCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT
CGTAAACCTCATTTTCCAGCCAGTTCCACCTTCTCTGCTGTTTTTTTGGTCGATCACTCTCGTACCCTTCAATTT
TTTCCATCTGGGGATTTGAATCAGGTGGATGGAAGTGGGAACCTCTTTTCAGCCATTCAACGAAGCTTGAGCC
AATTGAAGAAGTCACCATAAAGAAATGTGTTTAGCAGTGATACACGTGGAACCTGGTTTTATGCATCTGACATT
CTTAAGTCTCGTCCATGAAGATTGCATTGCAAAGATGAGGTTATTATCATTGGTAGATCTTGGCTCAAATGAAT
CTGCCCCGATTCCATATGCTCTCATCAAGGGTGTTACTTGTGTGTTACTTGTGCTTCAGATCAATGATGATGAG
GTCGAACTGTGGGTGCTGAAGGCCATTACGTCCAAATTGATTGACTGCAAAATGGACCAGATGAACGAAGTT
GTGATTGTGAGGTTTGTGCTATTCTCTATCTAGACCGCCACATTACACTTCTTTGGTTAGGCATAGCTTATTCTA
TACTAATATAATAACTCTTTTGATGTTTCATGTTCTTTACTTTTGTGTTATTTTATTTGTGATTAAAAACCATTAA
AAAGTCTATCAAGCTCGCATCAAAGAAATTGTTGCCTCTGCAGTTCGTGGATTCAATGATGATGTTTTAGATTC
ATTCATGTGCTAGTAATATTTGGCTTAGTGCTTTACTTTTGAAAACTTTTATGTTTTGGATATCTGCCAAGTTT
GAAGAAGATGGTGGTGTGATCTGATAGTAGTGTACAATTCGGGGCGATTTCGCATGGCTGGAAGGGGTTCT

TTAGCAGGTTTCCCATCCTATCCCCCAATTGAAGATAACTTGATCATTAAACAGGTTTCTTTATTTTCTATCTTAA
TTTTTATGGTTGTTTCGCATAGGGAGTCTTGGGCATCACCACCACAGAGGTCGCAGACTACTTAATTGGAGGT
GTCATGACTTGAAGTGGATATTTTATGGTTCTTCCCTTGAACAATATTTTAAATCTCTATGTTTCTCTCATCT
CACAGGGTCTCCTTTTTGCAAACCTGTTTCGTGAAGTGCTTGTAGAGTTGGAGTTACCACATTTAGTACGTTGG
CTTTAAGGAATTGTATTAAGTTTTCTACGAAATTCTGGATTTTCATTTCCACTCTGTTTGGGATTTTGGATGCT
GTCCATTGGGTTTGC GGGATTGTTAGCTACTGGCTTTGCAGATTTGGAAGAATATATATTGGATGGGAGAAGA
AGCAGCTGTTAACATCATGACCGTGGG

>trans_s_126 BT015735|Arabidopsis thaliana At5g42470 mRNA, complete cds

AAAGGCAGCGTTTTCTAGTTTGTGCGAGGTGTTCTTTGATCGAAAATCGAGGTGTTCTTTGATCGAAAATCGAG
GTGTCTCTGCAGCAAAGAAGGTAGTGGTGTGAATTTCTTGAGACGAATCAGGAGTTCATTGTTGTTTCAGTTG
AACTTGACGGTGGTTCTCCAGATCGATTACGGCGGATAAACCTTATAGCTCCATTGTTGAGCTGCTACGGCCAT
GTCCGCTGACACTGTTCTCCTCTCATTGCTGCCCATATTAATTACCTGCTCAACCACTTTCCCTCCCTGTTAAG
ATTGAGCACATGTGGTCTGGCAGTAGACACTACCCTGGAATTATGGATAGGTTACCTTAGTCATGCCTTACTG
CCTTGAATTCGTCAAATGGGACATCATGTACAATGCCGAATCACCGTTTTCTGCTCCTGATATTATGTTTGGAC
CAGAAGATGAAAATTTCCATCCATTAGTAGCAAGGTTGATGAAGGAGAAGGAGATCATAATTCATTACAGA
ACAGTTTACGTGACTGGAACAGCAAAGATCCATCTCGGCTCACTAGCCTCCTTCAAGAACTGAGGGATCGATA
TGCGTCATACCAAAGGAAACGTGTTGAAGGTGTTGATGATGAAAGATTGAAGTTTGAACCTTGTACTATGTTA
TCAAGGGAGGGAATTGAAATGCATTTGAATTCAGGTGTTGAGAAGCCAGAGGAGGTCAAATTTGCAGTGCCG
CTGGTAGACATTAATATTAATAAGATGATACCCGGACGCGCGTGAGGCATCCACAGAAGATATTCCTTGCAGG
TTTTATATCCGGTGGTGAGAAAATATGCAACTACTCCTTCTGCGCCACGTCTGAAGTTGGTTTCTACCTCTGAG
CTGAAGGCTCTGTTATCCATCGAGGACATCAAACCTTCCTTCTGGATAGATGGAATGTGCATGGCTGAATATCT
TCCCCATCTAGAAGAGAGTCTTGAGAAACAGGTTCTGGAGGCTGTTTCTTTGATTGATGTTAGGAGAGGCTTT
ATATAGGCATTGGACAATTTCTTTGGAAGGCCTTTAGAAGCTGACCCGGTGTTTTGCCGAACAGCTACAGTTAT
CACTGCGTCTGGGGTGTTACATTCCTGGTCCACATCCTCATTTCAACCCAATTTCAAAGAAACAGCCTTCTCT
GGTGCTGCAAAGTTCTCAGCATTTCAACTCTCAAGGTGCACCCATCAAGTCGCAGCTTATTACCGACTATCCTT
GGAGTCCTAGATGGGAGCCATTGCAAATGGCTGAGCGGATTTTCGAGTTTCTTGCTGACGAGGCTTTGAGTTT
CATAGGTAAGTCAATGAGTCTCAACTTCAATGACGATGGTCTATGAAAACCTCTGGTCAACGTGAGTCAATATT
CCCACCATACGTCAGTACAGTTTATGTATAGTAGCTGTTTGAGTAGAGTAGTGGTGTTCCTAATTTTTGGTTTTT
AGATTGATTTTGCCATCCCTTGGGGGGTGTCTGCCTAGTGCTTCCTTGATAAAGATTACGTTGTATTTGGAT
CGAGAACTGATGTGAGTTTTTCATTTAANGATCATTGTATTTGG

>trans_s_127 NM_122021|Arabidopsis thaliana SOUL heme-binding family protein (AT5G20140)
mRNA, complete cds

GCTGTGGCTGAGGCTGAGGCTGAGGCTCAAATGGCCGCTTTCAACTTTCCCTCCAAAACCTCCTCTCAACCCC
AACACTCACTTCCGTTCTCCGCCCACCGAAATCCGGCAGACTAACCAACCTCCTACCTCGTCTACTTCAATCCAG
AACTCCAGCTGTTAAACCCAATACCCAAAATTCTAAGTGGGTTGTTGATTCAACTTGTTGATCAAAGCCCAC
CAAAATCGACAGTCGATGTAGGCCGATTGGTGGATTTCTTGATGAAGATCTTTCCCATCTTTTCGATGAACAG
GGAATTGATCGAACGGCGTACGATGAACAAGTGAGTTTTGAGACCCCATTAAGCACGATACGATTAGT
GGGTATTTGTTTAATATTTCCCTCTTGCGAGAAATCTTCAGGCCTGAATTCCTTCTGCACTGGGTAAACAGGA
CCATATGAAATAACTACAAGATGGACTATGATAATGAAGTTTGCCTTCTGCCATGGAAACCAGAAATATTTT
CACAGGAACTCCATCATGGGTATCAATCCAGAGACGGGCAAGTTCTGTAGTCATGTGGATCTCTGGGATTCTG
ATACAGAACAAACGACTACTTTTCTGTAGAAGGCCTTTGGGATGTTTTCAAGCAGCTTCGGTTTTATAAGACTCC
AGAATTGGAATCACCCAAGTATCTGATTCTGAAAAGGACTCCAAAGTATGAGGTGAGGAAATATGCTCCATTT

ATAGTGGTAGAAACAAGTGGAGACAAGCTCGCTGGATCTGCAGGATTCAATACAGTTGCTGGGTACATATTT
GGGAAGAACTCTACGAAGGAGAAGATACCCATGACCACTCCTGTATTCACCCAAACATTTGACTCTGAATCAC
CCAAAGTCTCCATTCAAATAGTTCTTCCTTCAGAGAAAAGATATAGACAGTTTACCAGATCCTGAACAAGACATA
ATTGGCTTGAGAAAAGGTTGAAGGAGGTATTGCTGCAGTTTTGAAATTCAGTGGGAAACCTACTGAAGAGATT
GTGCAAGAGAAAAGCAAAAGAACTGCGGTCTAGTCTCATAAAGGATGGTCTCAAACCCAGGAACGGCTGTTTG
CTTGCTCGGTATAACGACCCTGGAAGAACATGGAACCTTTATAATGAGAAATGAGGTGCTAATATGGCTTGAAG
AGTGGTCATTGGAGTAATGAAGCAACAAATCTTGTTCTTTTCATAAAGCCTTTGAGTGATCTTTGTAGCAAAG
ATTTCAAATGTTCAAGTAATGAAGCAACAAATCTTGTTCTTTTCAAGATAGCACTCATGGACTCTGTCACGTT
CGGTGTCATCAGACTGTAATGTCTTTCTCGACAATGCATACATGCCACCGTCATAGTCCAACCTTTTTATAAATG
CCTTCCTACACCGTTATCAAATGCTAGGAATACACCGTTATCAAATGCTAGGAATACTCTTGAAATTTTGATTCA
CATTATGCCATTGGTGCATTGTAAACAAATTTTTAAATTGTTTCATTATTGAACATTGTACTTAAATTTTGTTTCA
AGCGTTTGACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_128 GQ865547|Prunus persica cultivar Loring DEAD-box RNA helicase-like protein
mRNA, complete cds

CTCTTTGCTCGCTTCGCTTTGCCAAACACTCGCTCCAACCTCCACGGATCAGATCCGAAGAGTTTGGCAAAC
CCTAGCTTCCTCTCTTCAATCTCCATCTTTTTCTTCTCGAACAATCCACAGCTATGGCAGGTTTAGCTCCAGAAG
GAACCCAAATTTGATTCTCGCCAATACGATGCTAAAATGAATGAGATTCTTTCAGCCGAAGGGCAGGAATTTTTT
ACCTCATATGATGAAGTTTATGAAAGTTTTGATTGATGGGGCTGCAAGAGAACCTCCTCAGAGGCATTTATG
CCTATGGTTTTGAGAAACCATCTGCAATTCAGCAAAGAGGTATAGTTCCCTTCTGCAAGGGCCTTGATGTGATT
CAGCAGGCTCAATCTGGAAGTGAAGAACTGCAACTTTCTGCTCTGGGATACTTCAGCAACTAGATTATGGTC
TGGTCCAGTGCCAGGCATTAGTTTTGGCACCGACTAGGGAGCTGGCTCAACAAATTGAGAAGGTTATGAGAG
CTCTTGAGATTATCTTGAGTTAAGGTTTCATGCCTGTGTGGGAGGAACAAGCGTCCGTGAGGATCAACGCAT
TCTTCAAGCTGGTGTTTCATGTAGTAGTTGGAACACCTGGTCTGTGTGTTTGACATGTTGAGGAGGCAGTCTCTTC
GCCCAGATTGTATTAAGATGTTTGTATTGGATGAAGCTGATGAAATGCTTTCTCGAGGTTTCAAAGATCAGATC
TATGATATTTTCCAGCTGTTGCCATCAAAAATTCAAGTTGGGGTGTCTCAGCCACAATGCCACCAGAAGCATT
GGAGATCACTAGAAAGTTTCATGAACAAGCCTGTCAGAATCTTGGTAAAACGTGATGAGCTTACTTTGGAAGGT
ATCAACAATTTTACGTAAATGTTGATAGGGAAGATTGGAAGCTTGAACTCTATGTGATCTGTACGAGACTC
TGGCTATCACTCAAAGTGTTATCTTTGTTAACACACGTCGCAAGGTCGATTGGCTTACGGACAAGATGAGAAG
CCGTGATCATACCGTATCGGCCACTCATGGTGACATGGACCAGAACACTCGTGATATAATCATGCGTGAATTT
CGCTCTGGGTCGTCTCGTGTCTTATCACAAGTACTGTTAGTCTCGTGGTATCGATGTCCAGCAAGTGTCCT
TGTCATAAATTATGATTTGCCGACCCAACCCGAAAATTACCTTCATCGAATTGGTCAAGTGGGCGTTTTGGAA
GAAAGGGCGTTGCCATCAATTTTGTACAAATGATGATGAGAGAATGCTTTTTGATTCAGAAGTTCTATAAT
GTGGTCATTGAGGAGCTGCCAGCCAATGTTGCAGATCTCCTATGATGAGGTTTTTGTGTTTTTTTTTTTTGTT
TTTTTTTTGTTTATAGGGATGGGATTTCTCTCTTATCTCTGAATGACACTATTTAGCCTCCCCCACTTGAAGTC
CTCTATTTTTATCTTCCCTTTGTTTTCATATATTAGTATTGTCAAAGTACATTTTGTAAATGATTTATTTCTGCT
TTCTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_129 X82833|N.tabacum mRNA for uroporphyrinogen decarboxylase

TAGCAGAACCGAAACCTACCACTTCTGTAGAACCATTATTGCTTAATGCTGTTCGTGGAGAGGATGTGGAAAG
ACCCCCAGTCTGGTTGATGAGACAGGCAGGGAGGTACATGAAGAGTTACCAAATCATTTGTGAAAAGTACCC
TTCATTTCTGCAAAGGTCAGAAAATACAGATCTTGTTGTAGAAATTTCACTTCAGCCATGGAAAGTCTTTAAGC
CTGATGGGGTGATCTTGTTCTCAGACATTCTCACTCCGCTTTCAAGGATGAATATTCCCTTCGACATTGTCAA
GGTAAGGGCCCAATCATCGCCAATCCTATAAGTGAAGCTGCTCAAGTTGACCAAGTGAGGGAATTTATCCCAAG

AAGAAAATGTTCCATATGTTGGGGAAGCTCTGACAATTCTCCGAAAAGAGGTTGACAACAAAGCAGCAGTTCT
AGGTTTCGTTGGTGCTCCTTTCACCCCTTGCATCCTACGTGGTCGAAGGTGGTTCATCAAAGCACTTTTCAAAA
TAAAAAGGCTTGCTTCTCTCAGCCAAAGGTTCTTCATGCATTGCTCCAGAAGTTTACGAGCTCAATGGCCAGG
TACGTTCAATACCAAGCTGACAGAGGAGCACAAGCAGTTCAAATCTTGATTGATGAGGACAGAGCTCAGCC
CCGTGGACTTTGAAGAATTCAGCCTCCCCTACTTGAAGCAGATTGTTGAGTCCGTGAAGAAAACACATCCAGA
CCTTCCACTAATTCTTTATGCCAGTGGATCTGGGGGCTTACTTGAAAGGCTGGCTTCAACAGGTGTCGACGTTG
TTAGCTTAGATTGGACAGTCGATATGGCTGAAGGTAGAAGGCGATTGGGAGCAGACATAGCAGTTCAGGGTA
ATGTCGACCCAGGTGTTCTCTCGGATCCAAGGAATTTATCACCAAAGAATAAATGATACTGTGAAGAAGGC
AGGCAAAGGGAAGCATATTTTGAATCTTGGTCATGGCATTGTTGTGGGTACTCCCGAGGAAAATGTAGCTCAT
TTCTTTGAGGTTGCTAAAGGAATTAGATATTAGTGGATTGCTGAGATTGATTTATTGTTCTGTTTAGTTGAATTT
TTGTAGTGTTGTAACTTAATCTTCTCTTGTGGGTCTCAGAAAGCATATAGAGACTGATTCTTCTTAATATTA
ATTTAGATCTTCGTTAAAAAAGGTTTAAACCCCCCCCCCCCCCGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCCCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGG
GGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAACCCCCCCCCCCCCCGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCCCAAA
AAGGGGGAAAAAACCCCCCCCCCGGCCCCCTTTTAAACCCGGGGGGGGAAAAAACCCGGGGTACCC
CCCATTTAACCCTTGAGACACCCCCCTTCCCCCGGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCCTCCCCC
CCCCCCCCATTTCCCCCGAAAGGGGGAGAGGGCCCCCCCCCTACCCCC

>trans_s_130 NM_120873|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT5G07910)
mRNA, complete cds

ATTTTATTTTAAGCATTCTTTTAAATATCCATCTCTGTTGTCTTCTCAAACATTCTCCTGGTCAAGGTTTTCAATG
ATCCGTTTCCGTTGATCAATCAATCTAAGACTTTTTGTGAACTTTCGTTCTTCTGGGTCTGTTCAATTCACGATT
TCTGGTGACACACTGTCTTCTCCGATGCTGGGGACACCATTTTCTTTCAGACCCAGTTTGGATTGGCGAAATT
TCCTTTGTTTCATCGATGATCAAAGCTGTGTCGTTTGATTGATCAAATCTCTGTAGAAAGGAGTACCCAGAGAC
GTATTCAAAAAGCTTGTCACTACTACCATCCTTGTTTCTTCTTGAAGGCTGAGTTTTTCTCTGGTGCTGGTAA
CATGGGGTGCTATGCTAGCAAGAATGCAGATTCAAAGGCCAGCAGAGTGGCTCGATGGCGAGCTACTGGTAT
CGTGGCTTTGCGAGACTCAAAGTTGAAGACATTTCTGATGAAGTTCTTGACATGGAAAGATCTGTTTCGTACC
CTTGATTTAACAACAATAAAATAGTTGATATCCCATGGAAGTCTGCAAATTAATAACATGCAGCGTCTGGT
ATTGGCAGATAACCTTATTGAACGTCTACCAATGAATTTAGGGAAGCTACAATCTCTAAAAGTTATGATACTTG
ATGGAAATCATATTACGACATTACCTGATGAATTGGGTGAGCTAGTACGACTTGAACGTTTATCTGTCTCCCGA
AATCTGCTTTCGTCCTTACCTGAAACCATTTGGAAGCTTGCAGGAATTTATTGCTTATCAATGCGTCAAACAACAA
GTTAAAATCTCTCCAGAATCAATAGGAAGTCGCTTCTCCCTAGAAGAATTGCAAGCAAATGATAATCTTATGG
AAGACCTTCCCTCGTCTTTGTGCAATCTGATTCACCTGAAGTCGTTGCGTTTAGATAATAACAATATTGGTCAGT
TACCATCAAATCTGTTGAAAGATTGCAAAGCATTGCAGAATGTATCTTGCATGGTAATCCAATTTTAAATGGAT
CAATTTGAGCAGATGGAAGGATTTGAGGACTTTGAAGCTAGGAGAAAAAAGAAATTTGACAAACAAATCGA
TTCCAATGTCATGATTAGCTCCAAGGGCCTTGATGAAGGCGCCGATCTGTAAAAAACCATTGCACTGGCTTT
ATAGAAAGAAAAAATATTTATGGGGGAGATGATTTGCTATTTTCTGGTTGGTTGGTGTGTAAATTGAAA
GGGGTGAGAATTTTATGATTGCAAGAAACCTGGGGACTATTGAGCTACGTTTTGCTAAATAAAAAATGTACACA
GGAGGACTCCCAATAACAGTACAGTTGTGTGTATAAAATCATAAACCTTCTTCATTTTTATTTTAAATTTTTGT
CATTCGGCGGGAATTGTATTATTTCTGTATAATTGAAGTTCAAATCTCTATAGTAATGTGGGCGGAGGCCTAAT
ATCACGATATAGAACTGTTGTTTATGATTGATTGTTTTTGGTTTTTTTGGTCTATGAAAAAGAACATTATAA
ACACACAGTAAGGAAAAAAGGAAAAA

>trans_s_131 XM_002867879|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ATTGAAGTGTGTCACAAGTTCTGCTCGCAATGTCTGAAGACTTATGTTGATGGAAAAGTAGATGCATCTCAA
GTTCTATCAGATGCCCTCAGTTGAGATGCAAATATTACATCACAAGCAATGAGTTTAAATCGTTTCTTCCCCTG
ACTTTATACGAATCGTTAGAGAATACCTTAGCAGAAGCAAATATTCATGCGGATAGAATTTACTGCCCTTTTCC
AAATTGCTCTGTCTTGTTAGACCCAGCGAATGTTTGTGAGCTAGGGCAAGTTCATCAAGTCAATCAGATAATA
GCTGCATTGAGTGTCCAGTTTGTGAGAGATTTATCTGTGTTGAATGTCAAGTTCCTTGGCATTTCATCAGTGAGC
TGCGAAGAATTCAGAACATCCCATTAGAGGAGAGAGACACTGCAGATATCACCTTACATCGTCTTGACAAA
ACAAAAGGAGGAGGCGTTGTACGAGTGTGATAGGATGATTGAATTAAGTTCAGGGTTCCTTTCATATGGCAT
GCTGGTGTGGGCATGAATTCTGCTATTCTGTGGTGTGAGTATCAAGATGGGCAACAGACCTGCCAACGTGC
CTTTTGGGACGAAGACAATTCCGAGAACCTGGTCACCCACTCCGTCCAAGAATCTGAGCAGTGGGCATGGGA
GACTTTTAATTCCTCCCATGATAATGGATGCATACTCAGAGCAAGAGAGGTCACAATTGGCACTAATTC AAC
GATTCTCGTGGGGGATTTAGTCTGAGCGACCAACCATATCAGTCTCCACCACGATGTACAGACTCTTAT
GTCGACACTATGAAGGACATACACCAGCTTCCTGGCTCGAGAGGTTTGTCTGTTATAAGCGATAGCTACTA
CGAAGATTATGTACAATGATATCGATTCTTAGGTGTCTTACTGAAGTTGACAAAATAAAAGGGAGGTAAGAA
GAGTTTCTTACTCTAGCTTTCCTCCCTCATTTACACCGCACAGCTTGGCGTTTCTGTCCGTAGTTAAGCTCTCTT
ATCTACTGAATCATGCTGGAATTTATGATGTGACCCTCCCTCAAAGGTCCTCCTTGATTAGATTAGAATGGAG
GAATCTTATGCAAGAATGTCAGCTTTTCTTCTATCTCTTCAAAGAATTGTTGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA
GAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAAAAAAAGAAAAGGAAAAGACCGAAAGGAATAG
ACAAGAATTAATGATGTCAATCAATGAAAATGAAATTTGTCTGCATCGTGTGTATGGTGTGCATCCTTTTCTT
TGTGAATGATAGTTCTGTTCTGTCATGCAACTTTCTATTGCAGAGGTGGCCTTCTCTTTTAATTAATTATTA
GTCATTTTACATGGTCCCTCCCAATTTATTGCTAAGATCATGAGGTCATTTTATAGGAAAGCATTGATACATA
AATGGACATATGTATTGAGCCATGCATTTAGCTGTCTTAGCAGTTATGGGAGGGTGAATGCTTGTCTTCAG
ATAAGGTGGGTCTGAAAATAATAAATTTAAGAATAATTCGA

>trans_s_132 AJ006974|Nicotiana tabacum mRNA for NAD-malate dehydrogenase

TCATTCAATCCCAACCGGAAAGAGTTTTCTTCTCGCTCTCACGCCTCACAACTACATTCTTTTTCTTTGCCT
GCGGTTTTCTCTCACGCTCGTCACAAGTCGCGATCTGTCAGTCTTCGCATCTTGCCGTCGATCGCCGGCGAG
AACCTTTTCCGTTTCATCTCTTTAGATTACATAGAGTCAGATATGGCAGCAACATCAGCAACTATTTTGTCAA
TTGGAGCAACTGAATCACTTAATTGTAACTCAGCTCGTTTTCCCATTCAAAGTCTGCTAGCTTAAGAATCAATT
CACACGAGACGCTTCAGAGCTTCTGTGGCCTCAAGGCAGATTCATCCCTTCGTTGTGACTCAGAGTCGTCTTC
TAGGGAAACAAAGTAGTGCTGCCCTATGGCGTCATCTTGCTCCATCAGCACAAAGAGTGAACCTGAATGTAC
GCAAAAATCTTCAACCTCAAGCCTCTTACAAAGTTGCTGTTCTTGAGCTGCTGGAGGAATAGGTCAGCCTCT
GGCCCTTCTCATCAAGATGTCTCCGTTAGTTGCCACCTTGAACCTTTATGATATTGCAACGTCAAGGGTGTG
CTGCTGATATTAGCCACTGTAACACGCCCTCAAAGTTTCAAGATTTACCGGACCTTCTGAATTAGCCAATGCT
TTAAAGGTGTAGATGTTGTTGTATACCTGCTGGGGTCCGAGAAAGCCAGGTATGACTCGTGATGACCTCT
TCAACATAAATGCTGGCATAGTGAAAAGTTTGGTTGAGGCTGTTGCTGATAATTGCTCTGATGCTTTCATCCAT
ATCATTAGCAACCCTGTCAACTCAACTGTTCCAATAGCAGCAGAAGTTCTAAAGCAGAAGGGCGTGATGATC
CAAATAAGCTTTTTGGGGTACTACATTGGATGTTGTCCGGGCAAACACTTTCGTTGCTGAAAAGAAGAACCTT
AAACTGATTGATGTTGATGTCCAGTTGTTGGGGGACATGCTGGAATAACAATTCTCCTTGTATCAAAGAC
ACGCCCTTCAGTAAGTTTTACAGATGAACAAATTCAAGAACTAACTGTTAGAATCCAAAATGCGGGAACCGAA
GTTGTGGAAGCAAAGGCTGGGGCAGGATCTGCTACCCTTCAATGGCATATGCTGCAGCACGATTTGTGCAAT
CATCTCTTCGTGCTTTGGATGGAGACAGTGATGTTTACGAGTGCATTTTGTGCAGTCCGATCTAACTGAGCTT
CCCTTCTTGCATCGAGGGTTAAGCTCGGGAGGAAAGGAATTGAAGCCTTTGTAACGTCTGAACTCCAGGGTT
TATCTGAGTACGAGCAAAAGGCTCTTGAAGCTCTAAAGCCAGAACTGAAGGCAAGCATTGAGAAGGGCATTG
CATTCACACAGAAGCAAGCTGTAGCTGCTTAAAGACTTGCTTTCCAGAACATGCTTGGAGAGTAGTATTGAA

TCCCAATAATCGGTTTGCGGCTTTTCTTTTGTAGTAGTTGTATGTTTCATTTTACCTCGTAATTATCAAAA
GAATGTAATCGTTTCATTANGAGTTCCTAGTAATT

>trans_s_133 XM_002893404|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

AAGAAAAAATAGTTCTTATTTGTTTATTTATTTATTAAGGATAAAGGCTTCACAAGCAATAAAGGAAT
ATGTTTTGGATGGATAAGAATGAAAAAATCAAAGCTTTATCAAAAAGGAAAAAATAAAATACAATTTGAA
GCCATCCTCCAACAAACCCATAATGAACTCTACCATTCAATCATCTTCATCTTCATCTTCATCATCATCATATT
TCAGCTGAAACTTGTCTTTCTTATATGAAAGTCTTTTCTGACCCCAAAGGCTGAGCAAAGGTTTAATTTCACT
GCCACCCGCCATTGACTAAAGGACAAAGCTTCTAAAAGCTAGAGAGAAATAATAAAAAAAGAGGCTT
CTTTTTGTTTTCGAAAGTGGGTTTGGGGCTTACCTTCTCCGTTTTGCAGTCTCTTCTTTGTTGGGGATTTTGG
GTTATAGGTTTTTAAGCTAGGGTTTGTCTTTTCCGCATACCCCATTAAGAAAACCACTCTACGCTTTGGTTTTT
CTTGCTTTTCTCTATTGTTTTCATCGTTTTCTGCAGAGGAGGGAAGGGATTCTTTCAGAGTATGTATTATCAG
CTCGAGAAATCTCTCATCAGGATTCTCTGGAAGTCTTGGAAGCGGATATTCAGTATGCTAATTTCTTTGGCTGC
TGCAATCCCATGGCAAAGGGGGTGTCTACCTCAAATGAAGTTGGTTTATAATCACTTGGCTCCCATTTGTTT
TGTTTTGCTACAATGGATGGATTGTTCTTGCACTTGCTTGCTTCCAAGATATTTGAACCTCTTCCACATACTTGT
GTACAAGGTATATCCGGAGGGGAAACAAAACAAAATATATCAAGGCATGGAAGGAAGGCAACTATTAGGG
ATTTCTATGCTATAATATTGCCTTCGCTTCAGCGAATCCATGGTAGCTTGGATAAGTTGGACGATTGCAAGGAA
GGGCATCACTGGATTGAGATGTCTAGCAAGAAGAGAGGTGATAAAGATGGTAGACTCAAGAACATCGATAT
GAAGCGAGAAGACGAGTGTGGTATTTGCTTGGAGCCCTGTACAAAGATGGTTTTGCCGAATTGCTGTCATTCA
ATGTGCATCAAATGCTATCGTAATTGGAACACAAGGTCAGAATCATGTCCATTTTGTCTGTCGAGCTTGAAGA
GGGTCAACTCAGAGGACTTATGGGTGCTCACGTGCAGCGATGATGTGGTTGATACCGAAACCGTCTCCAAGG
AGGACATGTTGCAGTTTCATCGCTACATAAACAGCCTTCCAAAAGACTATCCAGATGCCCTCTTCATAGTATAT
TCCGAATATCTAATTTAGTTCAGGCTTCAGAGTAACTGTATAGAGGGAAAATCCCTACGCAAATTGTAAAGG
TCAGAACATATCCTCTCTGCTTCATATAGAATCATTGATCACATGACATGCTTAGCTAGAACCAATAATGAATC
AATGTAAGATGCCAATCATCTCCGCATCTCGGCTCGTGTATCTTATAAACTTGAAAGTGCCTTTTTCTAATGCAC
TGATTGTCAATAAAGATGAATTTGGTCTCTGGT

>trans_s_134 NM_101961|Arabidopsis thaliana transporter-related (AT1G21070) mRNA,
complete cds

TCTTTCGCTTCACTTATCTGTGAACACATTTTAAGATCCGATCTGGGCATCTGCTGTTTGGGGGGTCTTCATT
TCCTCTCCCCGCCCTCCAATCTCATCCTTTTCTGTTTCTCTCGCTCAGATTTTGTGCAATTTAAGTTTATTCGAG
AGAGAGAGAGAAAGGAGAAATGGAGGCTGAAAAGAAATCGTCGGCGGTATCGGATGTCGGGGCGTGGGCG
ATGAATATCGTCAGTTCAGTCGGGATAATTATGGCCAACAAGCAGCTCATGTCTGCCAATGGCTATGCTTTCA
GTTTCGCCACAACCTTTGACTGGGTCCACTTTGCGGTGACTGCACTGGTTGGTCTGGTCTCAAATGCCACTGGT
TATTCCTCATCAAAGCACGTTCTTTGTGGGAGCTCTTTGGTTTTCTATTGTTGCAAATATGTCTATCACGGGA
ATGAACTTTAGTCTTATGCTGAACTCAGTGGGATTTTACCAAATCTCAAACTCAGTATGATCCCTGTGGTTTTGT
GTGATGGAGTGATCCTTCATAACAAGCACTACTCAAAAGAAGTTAAAATTGCTGTTGTTGTAGTAGTAATTG
GTGTGGGAGTTTGCAGTGTCACTGATGTGAAAGTTAATCTCAAAGGGTTTTTATGTGCATGCATAGCAGTTTT
GTCGACATCTTTGCAGCAAATTACTATAGGTTCACTACAAAAGAAGTACTCCATTGGATCTTTGAATTGCTGA
GCAAGACTGCACCTATTCAAGCCCTCTCCCTTCTGGTCTCGGTCCATTTATTGATTACTACCTTAGTGACAATT
CTCTACTGAACTATAAAATGTCTTCTGGTGCCATTTGTTTCATCCTTCTTCATGCGCTCTTGCTGTGTTCTGCAA
TGTCAGTCAATACTTGTGCATTGGGCGTTTCTCAGCTGTGTCTTCCAGGTGTTAGGTCACATGAAAACAGTAT
GTGTTCTCACATTGGGATGGTTGCTTTGATTCCGAACAACTTTGAAGAACATATCAGGCATGATTTTAGCA
GTTGTTGGTATGGTTATTTATAGTTGGGCTGTGGAGGTTGAGAAGCAATCTAGCATGAAGACTAATCTCAATG

CGAAAAATAGTCTGACGGAAGAGGAAATTAGACTTCTGAAAGAAGGAAGGGAGTCCAATCCTGTTAAGGATA
TTGAACTTGGTGAGACTAAAGGATGAATTTACCTTGTCTTTTAGGTCAATTGCATTGTGTTGTGTCTAGTGTCT
AGTCTTAGACTTACACTTATTCGTATCCCAATCCTTGCACCGATTAATTTAGATATTATATGCCCCGTAGTAAC
CTTGTGTCCGTTCAATTATATTTTTCTTGTTACATTTATATTTATACGTTTATATGTATGTATATCTTTTTCTTT
TTCCTTCATATTATTTATGCTAAGAGGTTAGTTCTAAGGCCATGAACCGATGGTAAAATGTCAACGTCATTTGT
AAGTGAACTTTATTTTATTTACTTCTTTAGATTCTTCTCTTTTATGAATACAAAATACATCACCTTGTTACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_135 NM_115676|Arabidopsis thaliana phenylalanyl-tRNA synthetase class IIc family
protein (AT3G58140) mRNA, complete cds

AGGACTGAGCAGGACCAGAAGTGGAGGGAACGACGAGCATGGCGTCGACTCTGTCACTGACTCAGGCTCTTC
TCTTCACCACTGCTTCTAATCTTTACGCAGAACTCTCTCAGAACCACTGTCTTCTCTGCATCTTCTCCTCCTCC
TCAGCTCTTCTCCTCCGATAGCCTTCACCGGAAGAAATGGGCGCAGCCGGTCTCTTCGCTTCTTGAGCTCGGCG
GAGTCGCAATTGCGAAAGATGATGTTGTGAGGGATGATCCTACGAACAATGTCCCAGATAATATTTTTTCAA
ACTTGGTATGCAACTCCATCGAAGAGATAACCATCCACTTAGCATTCTGAAGAATGAGATATACAACTATTTTG
ATACAAATTACTCAAATAAGTTCATTAAGTTTGATGACCTCAGTCCAATTGTTTCCGTGAAGGAGAACTTTGAT
GATGTGTTAGTTCAGAAGATCATGTAAGCCGAGTTATAATGATACATACTACATTGATTCGCAAACTGTTCT
GAGATGTCATACAAGTGCTCATCAAGCAGAGCTGTTGAGAAGAGGATATACTCAGTTTCTTGTGACGGGAGA
TGTTTACCGTCGAGATTCCATTGATTCAACTCATTACCCTGTGTTTCATCAGATGGAAGCTGTCGGTGTTTTTC
TCTCAATGATTTGGAGGTATCTGGTACAGATGGAACCTTCTTATGCTGCTGATGACTTGAAGAAATGCTTGGAA
GGTTTGGCAAGGCATTTGTTTGGTGCTGTGGAATGCGCTGGGTTGATGCATATTTCCATTTACGGACCCAT
CATTTGAACTTGAGATTTTCTTTCAAGAGAAATGGCTGGAAGTATTGGGATGTGGGGTGATGGAGCAAAAAA
TATTGAAAAAATGCGGCAAAGAGAATCATGTTGCATGGGCTTTTGGTCTTGGTTTGAAAGACTAGCCATGGT
TCTTTTTGGTATACCTGATGTCCGATTATTTTGGTCAGCTGATGAGCGATTACCTCACAGTTCTCAAAGGGCA
AGCTAGGTGTTAAATTTAAACCATTTTCTAAGTTTCCACCTTGCTACAAGGATATTAGTTTTTGGATCAATGAAT
CTTTCACCGAGAATAATCTGTGTGAAGTTGTGAGAGGAATTGCCGGGGACCTTGTTGAAGAGGTGCAACTGA
TAGACAGTTTTACCAATGAGAAGAAAGGGATGACGAGTCACTCGTTATAGGATTCGCTTACCGATCTATGGAA
CGGTCACTCACAGATGAAGAAATCAATGATTTGCAGAAGAACGTGAGAGAGCAGGTTAGAGCAAGTTGAAA
GTTGTCTTGAGATAAACATCGAAAATGCAAAAATTTAGTCATTGCCATGTAATGGTTATTTACTCTTTACCTGC
TCTACGGAATGAAATTTTCTCTGAACATCATTTGAATTATTTACTAATTTTTTTTCAATCTGGGTGATAGGA
AGTCTAGAGTATATAATCCAGTTAAACTATGAAAATAATCATCCAGAATTCAAATGGAGATGTGCTGCAAGT
TAATTTTTAAATGTATACAATGAGTTTCTTCCCTTAA

>trans_s_136 AY136373|Arabidopsis thaliana expressed protein (At1g28120) mRNA, complete cds

AGGAAATTTAATTTTAGTTTTACCATAGTTGACCTCTTACATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTC
TTCTTCTTCTTACGCCCTAATCCCTCTCACCCTCTCCACCCTTCGATTTCTCCCTCATTTCCCATTTCAACGCTT
CCTCCATTTTCACTCACCTCAACAATGGTTATCTCTCTCCTCCATGGCGCCCTTTCCCTTTACTCTTTTAGTATC
TGCTTCCCCAACCTCTGACAACTCACCTCTCCCCTCATCCTCTGTGGCCTCCTAGTAGGCAAGTTTGTGAGCTG
GTTGGATCATTACAGGGGAAGTCCCAAGGGAAATCTTGATAGGTTTTTCAAACCGACTTCACTAACAGAAG
AAACAGAAGTATTTCTTAAAGAATGCAGAATCAGGAAAATCTTGATACAGATGGGAAAGCGGAGTCTATA
ATATCCATTCAAACATCAGAATACGATAGTTGGGGCAATTTGGGTGATGACGATATCATGCTGCAGAAATCTG
CAATTTTTGTTTCAAGGAGCTGAGAAAGTTCCATTTGTCGGTGACAAGGAACCACTTCTTCTTTAGAAGCTGAA
TATAAATCGGGAAGTCCAATTTTGTGGAATAAATTAAGGTGCTCAGTGGCCAATATGCTGCCATTCGTCGAA
CACGTGGTGATGGGAATTGCTTTTCCGAAGCTTCATGTTTTCTTATCTTGAACACATTTTAGAGTCGCAAGAC

AAAACCTGAAGTTGATCGCATCAAAACAAATGTTGAAAATTGTAGGAAAACACTTCGAAGTCTGGGATATACAG
AATTTACCTTTGAAGATTTTTTTGCGCTATTCCTTGAGCAGCTGGAAAGTGCTCTTCAAGGAAATGAATCCTCTA
TAAGTCATGATGAACTGTTATTAGGAGTCGGGACCAGTCTATCTCTGATTATGTTGTTATGTTTTTCAGGTTTG
TTACATCAGGTGAAATACAAAAGCGTTCAGAATTTTTTGAGCCTTTTATTATGGGATTGACAAATGGAACGGTT
GATCAGTTCTGCAAGACAGCAGTTGAACCAATGGGTGAAGAGAGTGATCATGTACACATAATTGCCTTATCTG
ATGCTTTGGGTGTGCCGATTCGTGTTCTGTACCTTGACCGAAGCTCCTGTGATTCTGGTGGCCTCAGTGTAAC
CACCATGATTTTGTTCCTGCTACTACTGAGGTCTCAAGTGATAGTGCTGCCTCTGAGATAAAGATCCCTTTTCATT
ACTTTGCTCTATCGTCCCGGTCAATTATGATATCCTTTATCCAAAGTGATGGCCTTTGGCAAACCTGGTGGGGC
TCTCAGAGTTGAACTGCATCCACACGACAGACATGGATCCAAGCTTCGACAAGATTAAAGGTTGGATCTTCAT
AATTGATGCTTGCTAGATGTTCTGTACTGATTTTAATTACTGATGAGCTTGTTTGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAGAAGGAATTATATTCACCAGTTAACTGAAATTTGAAATATACATGTGAATCGGTCATCTAGTTTTTCAGTCC
TCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_137 AB264547|Nicotiana tabacum NtMEK2 mRNA for mitogen-activated protein kinase
2, complete cds

CTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCCGATCCATTCTCTCAATCTTTATTCTTCAATTTTCTTTCTGCGTTTTCATTTTA
TTCCATTTTTTCGATTCTTCTTCTTCTCGTCAGTGCCGATGAGACCTTTCCAGCCGCCTCCAGGTACAAATCCTCC
CACCGATCGTACTCGTCGCCGTCCCCATCTAAATCTCCATCTTCTCAACGGGACAACACATCTTTGGCTGTTCC
TCTTCCTTTGCCCTCAACCTCCTCCAATCTGCGCCTCCTCCTTCCACCAGTCAACACCACAACGCCAATCGCCCC
CCTGACCCTCATCTCACCAACGTCAACCTTTACCCTTTCTGAGTTTGAGCGTGTGAGCCGAATCGGAAGCGG
ATGTGGAGGTACCGTTTACAAAGTCGTTACCGTCCCACCGGTCGTGTTTATGCTCTCAAGGTCATTTACGGAA
ACCACGAAGATGCGGTTAGGCTTCAGATGTGCCGTGAGGTCGAGATCCTTCGTGACGTTGACAATCCCTATGT
TGTTAAGTGCCATGATATGTTTGATCATAACGGTGAAATCCAGGTTCTTCTTGAGTATATGGATCGGGGTTCTT
TGGAAGGAACACACATCCCTCAAGAACATCAACTCTCTGATTTGGCTCGCCAGATTCTTAGCGGTCTTGCTTAT
CTTCATAGCCGACCTATCGTTCATCGCGATATCAAACCGTCCAATCTTCTCATCAATTCTCGAAGGCAGGTTAA
GATCGCTGATTTTGGCGTCGGTCAATCTTGGAACAGACTATGGACCCTTGTAATTCCTCGGTTGGGACTATT
GCGTATATGAGCCCTGAGAGAATCAATTCCGATCTAAATCAGGGTCAGTACAATGGTTATGCAGGGGATATTT
GGAGCTTTGGGGTTAGCATATTGGAATTCTATCTGGGTGCTTTCTCTTGCTGTTGAGAGGCCTGGGGATTG
GGCTAGCTTGATGTGTGCTATATGTATGGCTCAGCCACCAGAGGCCCCGGCCACTGCTTCACCGGAGTTCCGC
CACTTTATTGCTTGTTGTTTGCAAAGAGAAGCTCGGAAGAGATGGACTGCAGCTGCATTACTGGAGCATGCGT
TCATAACAAGGAAAAATGGAGCAAGTCAGTTCCAGAATAAGCAAGCTCATCATCAGAATCTTCGTCAACTATT
ACCTCCTCCGCCTCTTCATCCTTCCAGCCTTTCTTGAGACAACAAGACAGTCTTTTAATATTTTTCTCATTTTGTTT
CTTTTTCTTTTTCTTGAATTACTCTGTCTTCTGAGAAGCATGACGACCGCCATTATTGTCCTGTAATTTTTCT
GGAATAGCCCAAGGGAATGGTAAATTATTTGCTGTTTAGAATCAGTAAATCAATCTGTTTTTCACGACATTTT
CAGAACAAACAATGCAAAAATTCCGTAATCTTTGCCGGTGGCTGAAATATCAATCAAGCTAAATCAAATTCGT
TTTAACTTTCCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_138 NM_111880|Arabidopsis thaliana SCPL7 (SERINE CARBOXYPEPTIDASE-LIKE 7);
serine-type carboxypeptidase (SCPL7) mRNA, complete cds

ATTTCTCCCGTGACCGCTAACAGCAGGAGGCAATGGTCCTTTCTTCCGCCTCTCCGTTTCCGTTATTGTTCTT
CTTCATGTATTCTCCCCGCCGCGCTGATTCTCACTGGACGGTGAAGTCTTGCCGGGATTCTCAGGAGGAG
AACTTCCTTTCTCGCTGGAACTGGATATGTAGGAGTGGGAGATTGGGAGGAATTCAGTTGTTTTATTATTTT
ATAAATCATATTCAAATCCCAAACGGATCCTCTCATTCTGTGGCTTACCGGAGGTCCTCGTTGCTCTGCTCTC

TCCGGTCTCGCCTTTGAAAGTGGTCCAATAAATTTTGAGGGAGAGCTGAAGGAGGGGAGCCTTCCTCAAGTA
CTCATAAACCCCTTACTCATGGACTCAGAACTCCAGTATAATATATCTAGATTTACCGGCGGGGCACGGGTTTTTC
GTATGCTAAAAACCTCAAAAAATCATGAATCAGGAGATCACGAACAAGTTCAACATTGCCTTCAATTTTTGAAAA
AGTGGTTCGACGATCATTCAGAATTTATATCTAATCCATTTTATATTGCTGGAAATTCCTATTCTGGTATGATTG
TTCCGATGGTTGCTCTAGCAATTTTAGAAGGAACTTACAAACATATTTTTTCATTTATAAATTTCCAGGGATACA
TATTGGGGAATCCTATCACTACTCCTAATGCAAATAAAAAATTTTAAAATTCCATTTGCTCATAATATGGCCCTCA
TCTCAGATGAATTGTATGAGTCGTTGGAAAGTAGTTGTCAAGGAGAATATGTAAACATCGATCCTAACAATGT
GGAGTGCTTAAACATTACGATACATATACAAAGTGTACTTCTGCAGTTAAAGTTGGATGTATTTTGTGGCCCA
ACTGTCCATCTTTCAAAGAACCAACAACAATGTCCAATCGAAGATCTCTCAACAGTATTTCTGTTATCCGAAGA
TGTCGTCAATATGACTCCTTACTTGCTTACTATTGGGCCAACAATGACCAAGTTCAAAAAGCACTTCATATACAT
GAGGGAAGTATCGAAGAATGGATTAGATGTCGTGACAATGACTATTACAATTATGAGTTGACCAAGTGTTCCTC
CTTATCACGTGAACCTTAGTTCTAAAGGTTATCGATCATTAACTATAGCGGAGATCATGATATGGGAGTGGC
GCATATGGAACTCAAGCATGGATCAAAGCTTTAAATTATTCTATAGTAGATGATTGGAGGCCTTGGTTCATC
GAGGATGAAGTTGGCGGGTACACCAGAAGTTTTGCAAACAATATGACATTTGCAACTGTAAAAGGTGGAGGA
CATACACCAGAATATACAGAGAAGAATCCAGCATACTTTTTAAGAGATGGATAGTGGGAGAATCCTTATGAA
CTTCATATTCATAAGTATCCAACAATATCTATTTCCACTTAAATTTTCAAAGTTTGCTGCCACCAAGGATTACAA
TTTTAGACACTAATGTTTCCTTTGTGTGTTAACGAAGTTTCATGAAGTAAATTTCAATATTTATGTCTGTGGTTC
AAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_139 XM_002889980|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata synaptosomal-associated protein
30 (SNAP30), mRNA

TTTTGTCAAAGACTTCTTAATCCTCAAGTTGTTCCAATTCCTGCTGATTCTTTGGCCCAGGTCTTCCTTTGACTC
TTCCCTCTTTCAATTCCCTTCTTTCTTCAAAACCCAGTTCAAGTCTTCGCTGATTATCAATTATACTCTTGATC
GTCTTAGTTCTTTGATTCTGAAGGGTGGAATTTTGATCTTCATAAGCATTAGAATCATTCTACTTGTACAAAAA
CATCAGCTGAATTCAGCATTTGCATTTCCAGAAATGTCACCTTTTAGGAAATCCCCTATAAATGTTGTTAGGCA
CAGCTCAAACCAACCTGCTAATCCTGCTCGTTCCAGTCCAAACCTGGTTAATTCAAACGATAATTTAGACAAGA
GGCAAAGCAGTCCTCAAGAATCACCTCTTCTCATCAGGAACTGCTGCACCAAATCCCAAGTCAGCTCTTTTC
GACGATCATCTTGAGAAAGGGACTGATTCTTCATATTCTTCATCTTCAAGTTCATATTCATGGTCATCAAGAAA
CAGATACAAGAATGATTTCCGGGACTCAGGTGGGATTGAGAATCAAACAGTGGAGGAGTTGGAGAATTATGC
TGTTTACAAGGCGGAGGAGACAATACTCAGTCAACAACCTGCCTGAAGATTGCTGAGGATATCAGAGAAGA
TGCAACCAAAACCTTAGTTGCCTTGACCAACAGGGTGAGCAAATCACTCGAACCACATGGTCACTGCTGAT
ATTGACAACGATCTTAGTCGGGGCGAGAACTTCTAGGAAGCTTAGGAGGAATATTCTCTAAGACTTGGAAG
CCAAAGAAAGGTGCTCAGATAACAGGCCCGGTTATCTTTGAAGGGGATCATGCTGTTATAAGCAAAGGCAAC
CATTTGGAGCAGAGAGAGAAAATTGGGGTTAAGTCGAGCACCAACCCACGGTCTCAGTGCCCCACATCCC
GAGCCAACCAACTCACTTCAGAAAGTTGAGGTGGAAAAGGTGAAACAAGAGGACGCTCTTTCAGATTTGAGC
AATATATTGGGAGAGCTTAAAGAAATGGCTGTTGATATGGGATCTGAACTAGACAAGCAAAATAGAGCTCTG
GATAACTTGTTTCATGATGCTAACGAGGTCACAATCCGTGTCGATAATGCTAACACGCGTGCTCGCCACCTGCT
TAGAAAGTAGAATGCTTTGCAAGGTCTCATCTCACTTTTACCATCAACAAATTTGATGGCTTATGCCTGGCTGG
ATTGGCTTCCCTTTTGGTTTACAGTCTCTTCTGTCTGTTTTTCTTTCATCCAAAAGGAAAAACATATACTTTTTCT
TTCCCTCAAACAGTTGTGAAATAGTTTGGTTCATTATATAATTTGTAGACAAATTACATGTTTTTCTTCTACCAT
TCTCTTATGTGTTGTTAGTTTTCTTTAATGAACTCCAAAAGGAAAAAAAAATACATTTGGACTCTCAATCTCTG
TACTTTTACTTTGGTTCATTTTGATCAAACATGTTCAATTTGATCAAATATGTTCTTTTGGACTTTGATACTCTTA
TAAAGTGGTCATTTTAAGCCAAAAA

>trans_s_140 EU219610|Gossypium hirsutum gland development-related protein 1 (GDRP1)
mRNA, complete cds

AAGGGAAAAAGAAAAACCCTACGTTATACGTAGTACTGTTTCTTCTCCTCTTCCTCTCCCTCTCCCTCTCCCTCCC
CCTCCCCCTCTCACTTGCTCCTCCTGATTTCCCTCGCCGTCCTCCTAATTGTTGCTGATTTTTGTTGTGCGAATTATA
CTCTATATCGGCCTCTCATAGCCTCAGCTGTGTCGCTTGCCCTTTGAACTTTAGAGGCTCCAAGCAGGGAGTAAC
GCTCTCTTGGTAGTTGGTACGGACTTCCCATTGTGTTGATACGACCAGAGTGTTAGACGTAGGCATGGAAATA
AACCTTGACAGACATTCTTTGACTTGGACTTCCATCCATCCGATCAATTGGTTGCAGCTGGTGTGATCGGGGG
CAATCTCCACTTGTACCGTTATGATGCAAATGCTTTACCCAAAAGCTTTTTAAAGTTCGAGCGCATGTCAAATC
TTGCAGAGCTGTTAGATTCATCAATGATGGGCGTGCAATTTTGACAGGTTCCCTCAGACCATTCCACTCTATCTA
CAGACGTGGAGACTGGTTCTGTTATTGCTCGTCTTGAAGATGCACATGATGAAGCAGTCAGTAACTGATCAA
CATAACCTCGGAAACAATTGCTTCAGGGGATGACAATGGTGCCATCAAGGTATGGGATACCAGACAACGTTCT
TGCTGCAGTCTTTTCAAAGCCCATGAAGATTATATTTAGATATGACCTATTCATCTGATTCCACAAAAGCTTTTG
GCAACAAGTGGAGATGGGTCTCTATCTGTATGGAATCTTAGAAGAAACAAGATCCATGCTCGATCTGAGTTTT
CAGAAGAAGAACTACTATCTGTTGTTACCATGAAAAATGGACGCAAAGTCATCTGTGGATCACAAAATGGAAC
TCTATTACTGTATTCATGGGGTTTTCTCCAGGACTGCAGTGATCGCTTTGGTGATGCCTCTCAAAATCCTGTGA
ATGCATTGCTAAAGCTTGATGAAGACCGGGTCATTGTTGCATCTGAGAGTGGACTCATCAGTCTGGTAGGTAT
ATTGCCCAATAGAGTAATTCAACCAATTGCAGAACACTCTGACTATCCTGTGGAGCGTCTTGCTTTCTCCCATG
ACAGAAAGTTTCTCGGCAGTATTTACATGATTACATGATAAAGCTGTGGGATATGGATTATTGCAAAGTTCT
GGAAATGCCCCGACTACAGTAGAAGCAAGTGCAAGTGCAATAGTTTTACTTTCACGGAGGACTAGAAGAAA
AAAGATCCGAGGAAAAGGACCAACAATAGTAATGAGAACAATTGTCATTTTGTACTATATTTAGGGTTTA
GGGTTTAGCCTCATAACATGTTAACTCTAAAGACATTATTTTTTACAAAGTTTTGCCATATTCTCATTCTCATT
TAGGATAGCATCAATTTATATGATCTCAAAGCAGACAAATAATTATGATGTGTTTTTTCGAGATGGTGCCAAAC
AAGTGATTGTTGATTTTCTCTAGAATCTTTTAAAGATATCCAATTGAAGTGCTTTATTTGAATTTGCTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_141 DQ267934|Cucumis melo var. inodorus 13S-lipoxygenase (LOX1) mRNA, complete
cds

GATGAGGCATTAAATCAAAGGAACTATTCATATTGGATCACCATGATGCATTAATGCCATATCTTAGAAAAA
TAAATTCAACAAAAACAAAAGCATATGCCACAAGAACATTGTTATTTTTGAAAGAGGATGGAACTTTGAAGCC
ATTGGTTATTGAGTTGAGTCTGCCACACCCTCAAGGTGATCAGTTTGGTGCAAATAGCAAACAATATTTCCAG
CTGAAGAAGGAGTTCAAAGTCAATATGGCAATTGGCTAAGGCTTATGTTGTTGTCAATGATGCTGGTTACCA
TCAACTTATCAGCCATTGGTTGCATACTCATGCAGTACAAGAGCCATTTGTGATTGCAACACATAGACAATTGA
GTGTGCTTCATCCAATTCATAAGTTACTTGTTCTCATTACAAAGACACTATGTTTATCAATGCATTTGCAAGAC
AAGTTCTTGTTAATAGTGATGGTCTTCTTGAACAAACTCATTTTCAATCAAAGTACGCCATGGAATTATCTTCTT
ACATATATAAAGAATGGAATTTTCTTGAGCAAGCGCTCCCTGCTAATCTCATCAAGAGAGGTGTAGCGATTGA
GGATGCAAGATCAACACATGGACTTAAGTTACTCATAGAGGATTATCCATTTGCTGTTGATGGGCTTGAGATT
TGGTCAACAATCAAAACATGGGTTACAACTATTGCTCTCTATACTACAAAGATGATAGTGCAATTCAAAATGA
TGTTGAACTTCAATCTTGGTGGAAGAGGTTAGAGAGAAAGGTCATGCTGATAAGAAAAATGAAACATGGTG
GCCAAAGTTGCAAAATTTCAACGAACTAGTCGAAACATGTACAACTATCATATGGATATCTTCGGCTCTTCATG
CTGCAGTTAACTTTGGACAATATCCTTATGGAGGCTTTATCCGAATCGACCAACCATAAGTCGTAGGCATATG
CCTGAAGTAGGAAGTGTTGAGTATAAAGAACTTGAATCAAAGCCTGAGAAGGCTTACTTGAAAATAATCAATT
CGATGTTGCAAACTTCTTGGAGTTTCACTAATTGAAATATTGTCAAGGCATGCTTCTGATGAAGTTTATCTT
GGACAAAGAGCTAGTATTGAATGGACTTCAGATAAAGCTGCAGTGGAAGTGTGAGTATTTTGAAAAGAG
GTGTCGGAAGTTGAAAGTAGAATTATCGAAAGGAACAAGGATGTGAATCTCAAAAATAGAAGTGGACCCGTT

AATGTTCCATATACTTTGCTTCTCCATCAAGTAGTGAAGGACTCACAGGTAGAGGTATTCCAAATAGCATCTC
TATTTGAAGAGATCAACTCTATGTTTAACTATCTATATTATTATTGTGTGGTACTCTAAATTTATCCCCAGTA
ATTTGTGTGTAGCAAAAAGCTACTTGAGCTACTCGATAAATAAATAAGATGAATAAGAGTGCTTACTAAAGTA
GCTATTTACTATGGTGTGTTCCAGTTTAACTTTGGTCTACATGTAATGAAGGTGTGTTGTACTTATAGCTTTT
TCTATATGTAACGAAGGTGTGTTGTACTTCTC

>trans_s_142 DQ437514|Hevea brasiliensis 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate reductoisomerase
(DXR) gene, complete cds

AGGTTCTTGCTCCGCTGAAATCAAGGCACCCTCCTTCTTGGAATCCTCTCGCTCCAGACACCTCACCAAACCTC
AAGGTGGATCATCCATTAAGGACTGCAGAACTATAGTTCATAAAAGAATTCAGTGTTCTTCACAGCCTCCTCT
CCAGCTTGGCCTGGACAAGCGGTCGTACCGCCGGGGTATAAGAAATGGGATGGCCGGAAGCCTATCTCCATT
CTAGGATCCACTGGTTCATTGGAACCTAAACATTGGATATTGTGGCAGAGCACCCCGAGAAATTTAAAGTTG
TGGGACTGGCAGCTGGCTCTAATATAACTCTCCTTGCAAGATCAGGTGAAAACATTTAAACCTCAATTAGTTGCT
GTTAGAAATGAGTCCTTAATTGATGAACTCAAAGAGGCTTTGGCTGATCTTGATGAGAAGCCTGAAATTATCC
CTGGTGAGCAGGGAATAATTGAGGTTGCAAGACACCCGGATGCAGTCACTGTTGTTACAGGAATAGTAGGCT
GTGCTGGACTAAAGCCTACTGTTGCCGAATTGAAGCTGGGAAAGACATAGCCTTGCCAATAAAGAGACTC
TTATTGCTGGTGGTCCCTTTGTTCTTCCCTTGCCCAAGCACAAATGTAAAGATCCTTCCCGCTGATTGAGAAC
ATTCAACCATATTCCAGTGTATTCAAGGATTGCCCGAGGGTGCACCTCGCCGCATTATTTTGACCGCTTCTGGT
GGGGCTTTCAGGGACTTGCCAGTTGAAAAGTTAAGGACGTTAAAGTTGCGGATGCTTTAAAGCATCCTAACTG
GAGCAGGGGAAAGAAGATCACTGTCGACTCTGCCACTCTTTTCAACAAGGGTCTAGAAGTCATTGAAGCACA
CTATTTATTTGGAGCTGAATATGATGACATTGAGATTGTAATCCACCCACAGTCCATCATACATTCTATGGTAG
AAACACAGGATTCATCTGTTTTAGCACAAATTGGGTTGGCCTGATATGCGATTGCCCATAGCATACACCATAACA
TGGCCAGAAAGACTATACTGCTCCGAAGTAACTTGGCCTCGCCTTGATCTTTGCAAGCTAGGTTGCTCACATT
CAAACTCCAGACAATGTAAAATACCCATCCATGGATCTGGCATACGCTGCTGGACGGGCGGGTGGAAACCAT
GACTGGAGTCCTTAGTGCAGCTAACGAGAAGGCGGTGGAAATGTTCAATTGATGAAAAATCGGCTACTTGGA
CATTTTCAAGGTTGTGGAGCTAACATGTGACAAGCATCGAAACGAATTGATCACAACACCTTCCCTTGAGGAG
ATCGTACATTACGACCTATGGGCTAGGGATTATGCTGCAAGTTTGCAGTCATCTTCTCTTTTAGTCCCGTAGC
CGCATAACCATTCGTATTGGCAGAGCAACAAGGTAAACCTTGACTGATGCTATGATGACAGCTTGCAATTTT
GTTTGTATCTTATAAAAATGGCCTAGCAAAAAGGTAGCTTATAAGGGATCAGTTATGAATTAATAATAATAC
TAATGAAAAGAAAAA

>trans_s_143 AB254852|Vicia faba VfPP1c-4 mRNA for catalytic subunit of protein phosphatase 1,
complete cds

CCCCGTTTCCCTTCTTCTCAGATTTTCTTTTAGGGTTTTCTCCCAATTCACCTCAATATTCTTCAATTGGAATA
TATTCTTCTTTTCTCAATTGATCTCCACCATTTCTTTCCATTTACCAAGTGAGTTCTCAATCCAATGGCCAA
ACACAAATACAAATATAAATCTACACTTCATGTTCCATTTTGCTTCATTTCAAACACCCTTCTCTCCCATTTCC
ATTTCTTCTTCCCATTTTCTTCTCCAAGTCATTCTGTTTTTCAAATCAACAAGCCCTCAAGATCCAAGAA
CTCTGAGATGGAATCTGCTACCCTTAATAGAATAATTAATAGGTTGGTTGAAATCGGGACCAGATCGGGGAA
GCAGGTGCTGCTTCTGAGGCTGAAATTACCCAATATGCATGGCTTCCAGAGAAATTTCTTAAGGCAACCTA
ATCTTTTGGAAATTGATGCACCTATCTATATCTGCGGGGATATCCATGGCCAGTTTTCTGATCTTCTAAGACTTC
TCGAATTTGGTGGATTTCCTCCTCATTGCAACTACTTGTTCTTGGGGGACTATGTGGATCGAGGAAAGCAGAG
CATAGAAACGATCTGCCTCCTCCTTGCATATAAAATAAAGTATCCTGAAAACCTTCTCCTTTGAGGGGAAACC
ACGAATGTGCATCTGTAAACCGTATTTATGGTTTTATGATGAATGTAAACGTAGGTTCAATGTCAAACCTGTGG
AAAATATTCACGGACTGTTTCAACTGTTTACCTGTGGCTGCTCTAGTTGATGAAAAGATACTGTGTATNGCATG

GTGGGGTATCTCCTCACCTTGACAGGTTAGATCAGATTAGGAATTTAAAGCGCCCTGCCGATGTTCCAGAATC
AGGTTTACTCTGTGATCTTCTTTGGTCTGATCCAAGTGTAACACACGTGGCTGGGGACCGAATGAACGAGGG
GTTTCATACACCTTTGGTGCAGATCGAGTAGCAGAGTTTCTTCGAAAACATGATCTTGATTTGATTTGTAGAGC
TCACCAGGTCGTGGAGGATGGGTACGAGTTTTTTGCAAATAGACAACCTGTAACCTTTGTTTTCTGCTCCAACT
ATTGTGGAGAGTTTGACAATGCAGCTGCAATGATGCATGTGGATTCAAATTTAATGTGCTCTTTCCAAATACTA
AAACCACCTGAAAAAAGCCAAAGTTTGGGTTTGGCAGCATCTCGTCGGGGCGATATGGTGGTACAAAAAA
GTAAAGTCGTTTCTTGCTCAATCGGGTGAACTTTTTAGCTTGTTCAAGTTTGTTTGGTTGGTCCGAGGTTT
ACCTCCTTGATGAGTTTTGATCTCCCGTGGCTTCTTCTTACTGAAATGTGACATCTGATACAGGCTTTCCACCA
TTTTAGTGTAACAAATGGTATGTAGTTATTTTGACAAGAATTCATGCTTTTTTGCCCTTTTCTTACTTGTGGGTTT
ACTAAAGCATCTATTGAGAACAAAATAATTAGAAAAAGACATGATATTTTCGTCCAAAAAATAATCTTCA
AAAAAATAATCTTCA

>trans_s_144 NM_106173|Arabidopsis thaliana SEC14 cytosolic factor family protein /
phosphoglyceride transfer family protein (AT1G75170) mRNA, complete cds

AAAGAAGAAGGGGGTAGGAGAACGAAAGTCAACCACCCGTTGCTGAAAATCGGTTGGAAAAGTGAAAATA
ACGCCGGAATCTGTTTGAAGCAGCTTTAGAGAGGGATCCAACCTGGTTGGACTGAAATTTGAATCCCTTTTCA
CCCGAGGAGTTATCGCCGCATAATTTTAAGCCTAATTATTTGGAATTTGCTGCCGATTTTTGGTGGTAATTCC
TTTCTACTGCTTTGGAAGTCTTCTGTGCGCAAATTACCAACGTTTTTGCTAGTGAAGACTCTGGCTCCATCTTCC
AGAAGTTCATATCAAACTTAGGCTATTCTTTTTATGAGGAAGCAAAGAATTTATGTTAGTTAGAGTGTAACA
GGTTCGTGATCGCGCAGCTATAATGTTTGGCCGACGGTCTACTTCTCATCACGAGGAAGAGAACAATCCAGAA
CAGATCACATCGAAGGTCAATGAGCTAAAGGCTAAGTTAGGACCCTTAGTTGGGCGCAATGCAATATATTGCA
GTGATGCGTGTTTGAAGATATCTAGTGCCAGGAATTGGAATGTAGACAAAGCGAAGAAAATGCTGGAA
GAGACATTCAAATGGAGATCTATCTATAAGCCTGAAGAAATTCGTTGGCCTGAAATAGCATTTGAAAGTGAGA
CCGGAAAACCTTATCGAGCAAGTTTTACGATCGAGAAGGAAGAACTGTTCTTATAATGAAGCCAGGAAAGC
AGAACACGACGTCATTAGAGAATCAGATTCGGCATTGTTGTTCTATCTTATGGACAATGCTCTTCTTAACCTTCT
GAAGGTCAGGAGCAGATGTCATGGCTGATTGATTTAATGGTTGGTCTCTTAGCACCAGTGTGCCAATCAAAT
CCGCACGGGAGACTGTCAACATCTTGCAGAATCACTATCCAGAGAGATTAGCCCTAGCGTTTCTCTATAACCCC
CCAAGGATATTTGAAGCATTCTGGAAGGTAGTCAAGTACCTTTAGATCCGAAGACATTTAGAAAGTGAGAT
TTGTTTATCCTAAGAAGCAAGAGAGTGTGGAACCTCATGAAGTCATATTTGATGAGGAGAATCTTCCATCAGA
GTTTGGAGGAAAAGCCCAACTGGAATATGTTACGAGGAGTTCTCTACATTAATGATTCAAGATGATATTA
TGTGCTGCCTTCTGGGAACAGGATGAAAAGCAACACCATACTGTCAATGGCTACTCGAGTGCAGTGGTGACTC
CAGAATGAGTGTACTTTTAGCAACATTTCAAGTTACAGGGATTGCCACCTGAATTTGCGGCTGACACCCTGAAA
ATGTGTTTCATTTATGAACCTTTATGGTCTACAGAAGATATACAGCAAAAAGGTTTGATGTAAGCCCTTAATT
TCACTAATCTTGCGTAATTACAGATGATGGAGAGATTCTGTTCTAATTGGTAATTGTAAGTGTGGTTAGGAGAC
TCTGAATTATTCTGTAAAAGGATTGATCAATTTGATCAACTTATAGAGATCCAACCTATCCAAAAATAATCTTCA
TTGCGAAAAAATAATCTTCA

>trans_s_145 XM_002313250|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP87D10), mRNA

AAACTAGAGTTGAAGTTCATCCATTCCTTTCAATTTATCGCGTCGTCATTCCAAGCTCGTCTTTGATAGAAATT
GCCTACTATAGATCACAATGTGGACGATCTTGCTTGGTTTGGCGACGTTGGCAATTGCCTACTATATCCATTGG
GTTAACAAATGGAAGGATTCAAATTCACGGAGTTTGCAGCCGGGCACCATGGGGCTGCCCTCATCGGA
GAAACCATTCAACTTAGTCGGCCTAGTGACTCCCTTGACGTTTCATCTTTCATTCAAAGCAAAGTTAAAAGATA
TGGACCGATCTTCAAGACTTGTGTTGGCGGGAAGGCCAGTGGTGGTTTCAACGGATGCAGAGTTAACCATTAC
ATAATGCTTCAAGAAGGAAGGGCTGTAGAAATGTGGTATTTGGATACACTTCCAAATCTTTGGTCTCGACA

CTGAATGGCTCAAAGCCCTCGGCCTCATCCACAAGTACATTAGAAGCATTACATTGAACCACTTTGGCGCCGA
GTCCCTTCGTGAGCGTTTCCTTCCTCGTATCGAAGAATCTGCTCGAGAAACCCTTCATTATTGGTCAACTCAACC
CAGTGTTGAAGTCAAGGAATCAGCCGCTGCGATGGTTTTTCAGAACTTCGATTGTTAAGATGTTCAAGTGAAGAT
TCTAGCAAATTACTGACAGCAGGTCTACTAAGAAGTTCACAGGACTTCTCGGAGGTTTTCTCACCTTACCTCT
AAATGTGCCTGGCACTACCTATCATAAATGCATAAAGGACATGAAGGAAATCCAAAAGAAGCTAAAAGACAT
TTTAGAGGAAAGATTGGCTAAAGGGGGTAGCATTGATGAAGATTTCTTGGGGCAAGCCATTAAAGATAAGGA
ATCTCAACAATTCATTTAGAGGAATTCATTATCCAATTGTTGTTCTCTATCAGCTTTGCTAGCTTTGAGTCCATC
TCTACCACTCTTACTTTGATTCTCAACTTCTCGCCGATCATCCCGATGTAGCGAAAGAATTGGAAGCTGAGCA
TGAGGCGATTAGAAAGGCAAGGGCAGATCCAGATGGACCAATCACTTGGGAAGAATACAAATCCATGAATTT
CACACTCAATGTTATCTGTGAAACACTTAGGTTGGGAAGTGTAAACGCCTGCTTTGTTGAGGAAAACAACCAAA
GAAATTCAAATAAAAGGATACACAATTCGGAAGGATGGACAGTAATGCTTGTGACCGCTTCTCGTCATAGAG
ACCCAGAAGTGTACAAAGATCCCGATACCTTCAATCCATGGCGTTGGAAGGAGTTGGACTCAATTACTATTCA
AAGGAACTTCATGCCATTTGGGGGAGGCTTAAGGCACTGTGCTGGTGTGAATACTCTAAAGTCTATTTGTGC
ACTTTCCTTCATATCCTTTTACCAAATACAGATGGAGAAAACTAAAGGGAGGAAAGATTGCAAGGGCTCATA
TATTGAGGTTTGAAGATGGGGTATATGTGAACTTCACTCCCAATGAATGATTGATTGAATGGAATTTGGCTTTA
CCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_146 DQ988169|Brassica napus photosystem I P700 apoprotein A2-like (psaB) gene,
complete sequence; and photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

GCGAGAACACTCAGAAAAGTTACCACAGGGATAACTGGCTTGTGGTGATTGGATACCTGCGATAGTAATCAT
ATCACATCTGAACTGGGTGTGTATATTTTAGGCTTTCACAGTTTTGGTTGTATATTCATAACGATACCATGAG
TGCTTTAGGGCGTCCCCAAGATATGTTTTAGATACCGCTATACAATTACAACCCGTCTTTGCTCAATGGATAC
AAAACACCCATACTTTAGCACCTAGTATAACGGCCCCCGGTGCAACAACAGGCACCACTTTGACTTGGGGGG
GTGGTGATTTAGTGGCAGTGGGCGGCAAAGTTGCTTTGTTACCTATTCCGTTAGGAACCGCAGATTTTTTGGT
ACACCATATTCATGCATTTACGATTCATGTAACGGTATTGATACTCCTGAAAGGTGTTCTATTTTCTCGTAGCTC
GCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTTCCCTTGTGATGGACCCGGAAGAGGGGGTACATGT
CAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTTAGGGCTATTTTGATGTACAATTCCATTTCCGTAGTAATATTCAT
TTCAGTTGGAATAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTGTAAGTGATCAAGGGGTAGTAATCATATTACGGGA
GCTTCATTTGCGCAGAGTTCTATTACTATTAATGGGTGGCTTCGCGATTTCTTATGGGCACAGGCATCCCAGGT
AATTCAGTCTTATGTTTCTTATTATCTGCATATGGCCTGTTTTCTAGGTGCTACCCACGCAAATCCCCGA
CCCGGCACCCCTATTAGCGGGCGTGTTATTGGCAAGAACTATTGAATCCATCGTTTGGGCTCATAATAAAT
TAAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTGTCCAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTA
CCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTCTTCTTAGCAAGAATTATTGCAGTCGGATAATGGCTAGGA
GGATTTGAAAGGCATTATGGCACTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGT
CGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGTGCAGTCCTAGGGATCATGATGATATTACTGAAGAACGTCTTTATCA
GAATATTTTGTCTCTCATTTGGGCAATTAGCAATAATTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTTTTCATGTAGC
TTGGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCACGGGTGGAT
CCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTTTACTCGAGGTGGTGTCTTGGCCAGTGAATATCGCTTATTC
TGGTGTTTATCAGTGGTGGTATACAATCGGTTTACGCACTAATGGGGATCTTTATACTGGAGCTCTTTTCTATT
ATTTCTTCTGCGATATCTTAATAGCGGGTTGGTTACATCTACAACCGAATACCCGTTTAGCGGTTCTGGTT
TAACCCGGCCGAATCTCGTCTCA

>trans_s_147 AB433897|Nicotiana tabacum NtJAZ2 mRNA for jasmonate ZIM-domain protein 2,
complete cds

AGATCCAAATACTCTTCTCTCTGCTTTTTTCTTTGCTGCTCTTCTCTCTTCTTCTCTTTTGGCCGCC
CTTTGTTTCAGATTTTCTCCTCTTCGGTCCTTTTTTGTTCATTTTGTGTTGCCGTCCGCTTTTTGGTCTCAAAT
GGAGATGGATTTCTTGGGTTTGAGCTCTAAGGAGCCATTGGCTGTGGTGAAACAGGAGATTGACAACGATGG
AGCGCAAGATTCTGGGTATACTAAAAGCTCTGGTGTTCATGGTCCTCTAACAAGGCCTCTGCTCTTCTCATC
TGATACCTTTCAAGATTTCTGCAGACGACAAGACTTCAAAGCTCGGTTCTGATCCAGTCGGGGCTACTTCAGAT
CAACGAAGAGCAGCAGAAATCCAGAAAACGTTCAATCACGATAGGCAAGGTGTTCAAATCAAGGTATATCT
GTTTCTTTAGGCAATCCATCCTTGAAGAACCCTTTTGTCTTCTCTGGTCAGATGGCTGGTCTATCCTCAAACAA
CCACTTGGAGGAGTACCTGTTTCGACTGCTTCAAACCTCATTTTTCCCGCCATTGGTTCTGTTGTCGGGATTACT
GAACCATGGAACAGCATGAAACCTACTGGAGGTTCTCCAAACCAATTGACTATTTTTTATGGTGGTACCGTCA
ACGTCTACAATGACATTACCCCTGAAAAGGCTCAGGCTATAATGTTCTTAGCTGGGGCTGGGGCTGCCATCTC
CAACATTTACATTCAAAGCTCAAGCTCATGCAATGGGTGCAAAAATGGCTGCAGCAAGTGATGCTGCTCCT
ATGAATCAGCCCGTAAGTGCCTTGCCTTGCCTGCTCTCTAGCCCATTTGTCTGTTTCTTCTCACACAGGCACC
CAGTCTGCAAGCGGGTCGAGCTGCACTGATGAGTTGAGAGGAGGTAAAACCAATGGAGTCCCACAACCTCCT
ATCAGCAAAGTAGAGCCTCAAAGAATTGCCAACCCGGGTGTATCTGTCACTGCTAGTGCTATGATGCCATCTG
CCGTTCCACAGGCTCGCAAAGCATCCTTAGCTCGATTTTATAGAGAAGCGCAAGGAGAGGGTGATGAGCTCTG
CTCCATACAATCTTAGCAAGAAATATCCTGAGTGTGCTGCGACAGAATCCAACGGTGCAAATTTCTCGAGTCCT
ATAACGGGCAGCAGCGCTAATGTGGCAAGCTAAGAGCAACGATCATATATGATGCAGAACTTATGAGAAGAA
TGAATTTTATATGATGTTTTGTAAGTTAAAAGAAAAGAAGATGTAAGCTACTGATTCTTACCACGGTCTGTTAT
TATCTGGACAAACTTCAAGGGCTTGAATTTCAAGTTTCAAAGTTCCACCTCTTAAATAATATTTCCACATAC
ATAGTTGTTCTAAGTTGTCAATTAATGTTCAAACCTTTGTTGGATCAATTGCTTCCAACACTCTTTATGTAGCCTT
AATGTATACATTAGTATTTCTTGTAACTATTTCAATTTCTCTCTTTGTAAAATCTTGTTACTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_148 AB442083 | Glycine max mRNA for peroxisomal adenine nucleotide carrier 1,
complete cds

AATCCCATTTTAAATTCCTTAGCAATTCATTCGTTTCGTTTCATTCATTCATAGGAAGAGAGGATCATGAGTTTTGA
TCTTGAATCGCTCTCGGAGGCTACTTCCGGTGCGATCGGTTTCGTTGTCAGCACCACTATCTTGTACCCGCTTG
ATACCTGCAAGTCAAAGTACCAAGCCGAGGTTTCGAGCTCATGGCCAACAGAAATACAGGTATCTTTCAGATGT
GTTGTGGGAAGCAATAAAAAACAATCAAGTTCTTTCGCTGTACCAGGGACTGGGAACCAAGAATCTACAATCT
TTTGTCTCTCAGTTTTTGTACTTCTATGGGTATAGCTACTTCAAAGACTATATCTAGAAAAAACTGGGGCTAAA
TCAATTGGAACAAAGGCAAACCTGTTACTTGTCTGCTGCTGCTGGAGCTTGCAATGCCATCTTAACTCAGCCCTT
GGATACAGCTTCATCAAGAATGCAGACAAGTGCCTTTGGAAAATCGAAAGGGCTTTTCAAACACTGACAGA
GGGCAGTTGGAGCGACGCAATTTGATGGTCTTGGAAATTTCTTGTCTCACTGCAAACCCTGCCATTCAGTATA
CAGTATTCGATCAGCTGAAGCAGAACATCCTCAAAGGAAAACAGAATAAATCAGAACAAGGTTCACTCTCCAGT
AGTTCTTCTGCTTTTACAGCTTTTGTAAATTGGTGCAATTTCAAAGCATTGCCACCGTTCTGACATATCCCGC
AATCAGGTGTAAGGTGATGATCCAAGCTGCACATGACGACGAAACAAAAGAAAATCGTCAAAAAGTCCAACG
AACAGTTCCGGGCGTTGTCCATTCTATATGGAGAAAAGAAGGCATACTTGGATTTTTCAAGGGATTGCAAGCA
CAAATCTTGAAGACTGTACTCAGTTCAGCTCTTCTTTGATGATAAAAGAGAAGATCACTTCAACTACTTGGGT
TCTAATACTTGAATCAGAAGGTATCTATTGCTTACTAGACCTAAACTAAAAGTAGCTGAAGGTATTCATTAA
AGGCCAAAAACATATGAAGAAGAAGCAATAACACGTGGGAATAAGCACCATTCCCATGGAAATAATGCAAGC
TTGTTGATCTTTACCCATTTTACCACAGTAATAATGGATAGATTGTCGTTGCGATCCTTATGGTTTTGGAAAAAG
TTAGAATTTAGTTTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTTGTG
TAAATAGTCTCTACAATAGGGTCTATTAACGAGAATTTTATCAAATCATAGAGATGGTGCAGCAAACCTACAAG
GATTAACTTTAACTTTCTCTAACTATGGGGATTAACATCGCAACTTGAATGATAATAATTTATCTTATGTTGA
GTTTAGTATTTAACGTGGAAATGGAGGATTTTTTTTGTAGAGGGAGATTGTGTTTAGTTAGAACATAACTGTA

GCCAATCCCATAAAGTATTGTATTCAATTAGTAGTCCATGTAACCTAGTTTGTAATTGTAACGAGAAAATTCCATT
TCGTCCCAGATTTTCAATGTTA

>trans_s_149 XM_002882615|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription initiation factor IIB-2,
mRNA

TCCCCTTTCAATTTCCCTCCCTCATCGTCGAAATCTATTACCGACGCCTCGCCTGAGCAGCCAATACCAATTTCTC
CCTGGAACCAACATTCATCTCTCTTGCTCTCCAATCCCCGCTTGCTCAAGCTTTTTTTAGGGTTTAGAAGAG
CCCAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGCTGGTTGTGAACAATGTCTGATGCGTTCTGCTCTGACTGCAA
GCGTCAGACTGAGGTTGTTTTGACCATTCCGCCGGAGATACGGTGTGTTCCGAGTGTGGTCTTGTCCTTGAA
TCCCCTCCATCGATGAGACCTCCGAGTGGAGGACTTTTGCCAATGAGTCTGGGGATAACGACCCGGTTCGTG
TTGGTGGACCCACAAATCCTCTTTGGCTGATGGTGGACTTTCCACGGTGATTGCGAAGCCTAATGGTACCACT
GGGGAGTTCTTGTCCTCGTCTTTGGGTCGGTGGCAGAATCGTGGCTCCAATCCAGATCGAGGGTTGATTCTTG
CTTTCAAGACCATTGCTACTATGTCTGATAGGTTGGGCCTTGTTGCAACCATAAAGGATCGGGCCAATGAGAT
ATATAAAGAGTAGAAGATCAAAAATCTAGTAGAGGAAGAAATCAAGATGCTTTATTGGCTGCTTGCTTATAT
ATTGCTTGTGACAAGAAGATAAACCCCGCACAGTCAAGGAAATTTGCTCTGTTGCCAATGGGGCAACAAAG
AAGGAGATTGGGCGAGCAAAAGAATACATTGTGAAACAGTTGGGGTTGGAGACGGGTCACTCTGTAGAGAT
GGGAACAATTCATGCTGGAGACTTTATGAGGCGTTTTTGTTCAAATCTTGGGATGAATAATCAAGCTGTTAAA
GCTGCCCCAAGAAGCTGTACAGAAATCTGAAGAGTTTGATATTAGGAGAAGCCCAATTTCCATTGCAGCAGCA
GTTATTTATATTACTCAGCTTTCAGATGATAAGAAGCCTCTGAAAGATATATCGGTAGCTACCGGTGTTGC
GGAAGGAACAATCAGAAATTCATATAAAGATCTCTATCCACATGTGTGCAAGATATTACCGGGTTGGTATGCT
AAAGAGGAGGATCTTAAGAACCTCTGCAGTCCTTAAATGTAGAGCAAAGCGACAACGACGTATGACAGGGA
ATTTAATCGAAATTGAAATTACTCTTTTTCTTAGCCTTCTTGACTTAAACTCTTTGAGATTTGCAAAGAGTG
CTAGAAAGAAAATCTCCACCTTCTGCTTCTCCCTTCTCTAAATAGATTTATTGCCATTATCAAATCTAAATGACC
CCCCAACTTGCCCCATAGTTTTACCTCAGTTCACAATGAAAAGTTATCCAAAATTTTGATGCTCTCATGAC
TTTATCGATATCAAATTTAGCATTGCTCAAGTTTACACCAATTTTACGCGTTCTTATGGCTTCCAAAGGGTT
CAAAGATGGTTGGTATTTCACTTTGCTTTCCATTGTTCATTTTTTAATATTATTTTTTTTTTCCAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_150 EF173162|Cucumis melo NAC transcription factor (ATAF) mRNA, complete cds

AATTCACCCGCCGCTCATCGGAGGAGATCAAGATTAGCCTTTTCCACCACCACCGTATATCAACAAACACAG
AGAGAGATATAGGCTTCGAGGCCAAGTTTAAAAAGAACAGCAGTAAAGCGCTAGCAAATGACCGTAGCTGG
GCTCGAGTTACCTCCAGGCTTCAGATTTACCCCTACTGATGAGGAGCTAGTCCTTCACTACCTCTGCAGAAAGT
GCTCCTCTCAACCCATCGCCGTTCCATTATCAAGGAGATTGATCTTTACAAATACGACCCCTGGCACCTCCCTG
AATTGGCCGTCTGTGGTGAAAAGGAGTGGTATTTCTTCTCCCTAGGGACCGTAAATACCCTAACGGCTCCCG
CCCCAACCGCGCCGCTGGAACAGGCTACTGGAAGGCCACCGGTGCTGACAAACCCATCGGCCGCCCAAAAC
TCTTGGTATCAAGAAGGCACTCGTCTTCTACGCCGGAAGGCCCCAGGGGCGTCAAGACCAATTGGATTATG
CACGAGTATCGCTCGCTAACGTCGATAGATCTGCTGCCAACAAAACCAACAACCTTGAGATTGGACGACTGGG
TGCTATGTCGTATCTACAACAAGAAGGGTTGCATAGAAAAGCATTACCAATCCACCGACGACAAGGCAGCCG
AATTCCTGATTTGAGGATGAGAAACCAATATTACCACCAACAACATGGTACAACCTCCCTCTCCACAACCAG
TTGCAAATGGAGACCTCCGACTCCGTCCCCAGAATGCAGACCGAATCCTCCAGTGGCTCGGATCTCGTGACGT
CGCCGGAGCTCACCTGGGATAAGGAGGTCCAAAGTCAATCCAAATGGGAAGGAGAAGGAGGAGGAGAAAG
AGCAGCAGTAGCTGATTTGACTTCTTTGAGTTCAATTACATGGATTCTTCTCCATGCCAGAGGACGTTCCAT
TTGGAAGCCAGGTTCAAGTTCAGATGGACATTTGTCGCCATTGCAGGACATGTTTTCATATCTACAGAGGCA
GATTTAACCACCACCGCCGCCGAGAAGCAACAGCGGTAAAGGCATAGACTAAGGGGATGCATTCAACCCCG

TCGCCAGGCTTCATCTCTCTACCATATATATAAACATATTATTCATATTTTACACAACGGTTAGCAAATTCCTTG
ATAAGCCGAAACCAATATGGCCAGAAAGTATTGTTTGTGTGGGTCTCTCCTCTTCTCTTCTTTGTTGTAATGA
AGAATGTAGTTGATTAGAAGAAAATTGAGCTATGCTTCCAAAGTTGATTGAACTTCGATTCATCCTCCTCAAGC
CAAAACCAAGAGGAGCGATGGTAGTGACATTACAATTTGCCAACACAGGCCTTAGTCTGACACCTCGACCCA
CTAGTCATTTAAGCATTGTATATTCCAACGCTGCCTGCAATCAACGAAACCAATAGTGCTGCACCAGTCATG
GATGTGAAATCTAACTCATCTCATCTTTGTAATTCCAAAAGCAGAGTTAATAAAAAATGTCACTTCTAATTCTAT
TACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_151 AY564238|Cucumis sativus male-specific expression region sequence

ATCCGAGATATGTTTCCCTCGTTTCCCTTCATTGACTCTGATTTTGTCTGCGGGCCATGATAGATTAGCGTTT
ATGATCTGTCGTCGCGGAATATTGGACGCCAATGAAAAATTCCGGCCAGTATGGTTGTTCCCTTGTTCTTCCCC
TTGTTTTTCTTGTTGGTGGAGGTCCAAGTTCAGGTTCGTCATATAAATTTCCAGATCTAGTTGTCTATCCACC
GTCTTCAGTTTGATGGGGTCGGTGTTTGCAGTGCGGTGTAACGTCTTTCGTAAATAACAGGGTTTTGACCAGA
TGATCTAGGCCTTCTGCGTTGTATTACAAGTCTGAATGGATTCTTAATACAAGGCAAATGGGGAATTTCTTT
ATAAAAGCGAGGAGAAAACAATCTCTCGGATTTGCTGCTACCTTGAGTGGTTTTTGGCAGTTACCTTATGTAAT
TTCATCAAGGGAAGGTTGATTTGATTAGAGTATTGTCGTGGATGTATAAGATATCAGACCGAACCACCTATTT
TATTAGGGAGGCGTTTTCTGATCGATCTTTGTCATCCGACCTTTGCCATGACAGGTGCGCTTGCATGGCAGGT
CAACTACGTTAATGAAAAAAAGTTTTTGGGTTTTGAGGAGGGATCGCACGGGGATTGCCCGGGGTTCTTC
TCTTTGGTGTGTGCCGTTTCTCTCTCTCTTTATCTCTGTGCATAATATTATGCGTTGCTGCCCCGAGTTGCTTG
CATCCCCAGGGATTGCTTGCTCGATCGTTCTTGCCCAACACGTGCCCGTTCTTGCTCAATTTTTTATCTCAAAT
GAATTCGTTGGCAAAGGTAAAAACAGTAAACAACAGCGTTGGTAAGTAGAATAATATTAATCTGATTAG
GCTTCTATAAATTAGCCGGTTCAAAATCTCTATACGTTGCTTAGCATGGTCTCATTAGTATTCGTGCGCTTTTTT
ATAGTGTAGTTCTATCTGTTCTCTTGCTACATGGGTAGTCTTACTGAGAGTTGTTGTGTTCCGGGTTAATAACA
GCTATATTTTCTAGGGCTAAACCGAAGTTTCGTCCTCTCACAATTGCTAGTCGTGTTAATTTTTAATCAAATTC
CAAATGGAACATTTTTTCCGGTTAATTTACAATTCTTCTTTAGATTTTGAACCCCGTAAATGTGGAAACGTAGT
AAAGAGAACAAAGAACCTACAAGTGAGACGAGTGTTTAATTGCTAGATTTTTAATGACCAGAATGAGGGGG
ACCAAAGGGTTATCAAATGGTGATGGATACTGGTTTTGAGAAGTTCCTGTTCAAATATAATCAAACAAGTAT
TGCGTAGATTTAGTTGGTCTTTGCGTTCAGATTTTTGCTGGCAGCACACAAGGAAAATTATTAATTTCTCCAGA
ATCCTATTTGGCACTTCTCATTTATGTTGAATATATATATTGGGGGGATTGCGGCCACAGGATTGAGTGAATTG
TGTTTGTGAACGTTAAATTATGGTACTTGATGTAAACGTTGTTAGTCCAAGCATGAATTTGTATGTAGTCTGTA
TTTTGTTACAACT

>trans_s_152 AY037194|Arabidopsis thaliana AT3g51130/F24M12_170 mRNA, complete cds

AATTTTCACCCACCTGTCTTCTCCAATCGCGAAACCGCGCAACAGAAATTTTTTTTTTATCCATCCAATAATCC
AAACAAAAACGATGCAGCAGAGATCGAGAAGACGGTGTGAGGGCACGGCTATGGGTGCCATCCTCCTCGAT
CTTCAACCCGGCCTTGGCCTTGGCCCTTTCAATCTCGGAATGCCAATTTGTGAAGCATTTCACAAATAGAGCA
ACGCCCCAATATCTATGATGTTGTCCATGTGAAATACTTTGATGAGGAGCCTCTGAAACTTGATATCGTTATCA
GCTTCCCAGACCATGGCTTTCATCTTCGATTTGACCCGTGGTCACAGAGGCTACGTCTTATTGAAATATTTGAT
GTGAAGCGACTTCAAATGCGATATGCTACTTCTCTGATTGGAGGACCATCCAATCTTGCTACCTTTGTAGCTGT
GTATGCACTTTTTGGGCCAACTTTTACTGGAATTTATGACAAAGATAGGGGTGTGTACACTCTATTCTATCCGG
GAATTTCAATTCATTTCCAATACCAACCAATATACAGATTGTTGCCATGATGGAGAAGCGGAGCTACCTTAG
GAGTTTCTGATGGCACAACCTCCAGTTGCCTGCCGTGTCTCCATATTTGATAGTTCTACCGTAAAAAAGGTTGG
CATAGGAGCCTTAATGGATAAGGCTTCTGCTCCCCATTGCCTGCTGGCAGCCTTTATATGGAGGAGGTCCAT
GTTAAGCTTGGTGACGAATTATACTTTGCTGTGGGTAGTCAGCATATTCCTTTTGGTGCATCACCACAGGATAT

TTGGACAGAATTAGGTCGCCCTTGTGGAATCCATCAAAAACAGGTAGATCAAATGGTTATTCATTTCGGCTTCT
GATCCCCGTCCCACGACAACCCTTTGTGGCGATTACTTCTATAACTATTTTACCCGTGGTTTGGACATCTTATTT
GATGGACAGACTCATAAAATCAAGAAGTTTGTTCATACCAATTACCCTGGTCATGCTGATTTCAATTCATA
CATCAAGTGCAATTTTGTAAATCCATGTTTCAGGTTCTTCTGATGAAACAACTGTAAAAACACTATAACCCCTA
GCACGAAGTGGGAAGATGTGAAGGAAATTCTCGGGGATTGTGGGCGAGCTGCCATCCAAACACAAGTTCA
ACAAACAATCCTTTTGGATCTACTCTCGTTTATGGTTATCAGAACATTGCATTTGAGGTGATGAAAAATGGTTA
CATCGCCACAGATACTCCCTTCAAGTCATGATATATAGGCGCGTTCTTCCCCTAGACAGTTCGTTTCAAGCTAAT
TATGAAGTTCATAAAGATGGCTTCTTACTCTGGTACATTTTATAATGGCTGGCCACAAAAGCGAAATGATCAA
TCACTATGGGTCAAGTCTGGAGCACTTCAAGCTGGTTAGCCTATGTGGGTTTTCTGAAATCTTGGCTATGTATA
TTCCACCTTGTATGAAGCACCACATACTCAACTAGGCATTATTATCATGGTGGATAACATAATGATGTATATA
ACTATTGATTTGTAAA

>trans_s_153 NM_001064360|Oryza sativa Japonica Group Os06g0548000 (Os06g0548000)
mRNA, complete cds

CCACAGAACTTCAACTTCAACTTCAACTTCAAGCTTCAACGGTAGTATTTCTTCTTTGAACGATTGTAATGTGGAG
GAGTTTGGTACTAACGAGAAGATGCATTTCAACTTCAACTTCAACTTCAAAGCCTCTTAGTCTCGGATGGTTTCG
ATCACGTGAAACCGGCTCCGAAGGATCTGATCATCGGTGTTACCGAGGCTTTTTTTGGCCGATCCAAGCCCTA
ACAAAATCAACCTCGGGGTGGGAGCTTATCGTGACGATGAGCGCAAACCGGTTGTGCTTCAATGTGTTAGGG
ATGCTGAATCGAAAATTACCGGGAGCGAGTTCTTAGAGTCAATTTCTGCTGAGGTGAGTTCAAGATTTGTGGA
GGAGAGTGTTGAGTTGATTTATGGAAAGAATTCAGATGTTATGAAGGAAAGGAGGTTTGCCGGACTTCAGGC
ATTGTCTGGGACTGGAGCTTGCCGACTGTTTGCTGAATTTCAAAGGCATTTCCATCATGATGTTCCGATTTTCTT
GCCTGATCCTACTTGGTCTAACCATCACAAATTTGGAGAGATGCTCAAGTTCCTGTGAGAACCTACCGCTACT
ATCATCATGATTCAAAGGGTTTGAATTTTGGAGCATTATGAGTATCAAGAATGCCCCAGAAGGTTCTTTC
TTTCTGCTTCATCCTTGTGCTCACAAACCACTGGCATCGACCAACGGATGAACAATGGCGAGAAATTTCAAA
TCAGTTTATGGTGAACCATCACTTTCCCTTCTTGGAGATGGCGTATCAAGGTTTTGCCAGTGGAGATCTTGAAA
AGGATGCAAAAGCTATACGTATATTTCTTGAAGATGGACATATAATAAGATGTGCTCAATCCTTTGCGAAGAA
TATGGGTTTATACGGACACAGGGTTGGTTGTCTAAGTGTTCTTGCCAAAGATCAAAGCAAGCGATGATAGTA
AGATCTCAACTTCAGCGACTGGCCAGGGCAATGTATAGCAGCCCTCCTATTCATGGTGTGTTATTGGTCTCAAC
AATCTTGAGCGATCCACTTCTGAAGGCTGAATGGATTGAAGAACTGAAGGTCATGGCTGATCGCATTCGATCA
ATGAGAGCTAGTTTATTTATCATCTTGAGAAATTAATCTCCTCACAAATGGGACCACATAGTTAAGCAGGTTT
GAATGTTTTGCTATTCTGGATTGAATATGAGCAGATTGATCAGCTGGCGAGAGATTTTCATATATATATGACT
AGGGATGGACGTATAAGCATGGCGGGTGTGACGACGAGAAATGTAAGCTATTTAGCGGAAGCGATGCATCA
AGTCAGTAGCTATGATCCACAGTGCCAATAAAGGTCTCGAATGCAAGTTTCTAGTTGGCCATCATCTCAAGAA
TAGTTCAATTGATGAGGATTAGTTTCTTACTGTTCAATCTACCTATACCGATTTGTATTTTATAGGCAAAATCTAA
TAGATCAGCCAACAAGCCATTTTTTAATCAGCTTTAGTGGTAGATAATATATAGCTGGAAAAAAAAGAACTAC
ATTCTATAGAAGCAGAAAT

>trans_s_154 AF061240|Carica papaya glutamine cyclotransferase precursor, mRNA, complete cds

AAGACGAATCTCCAATGGACAATTCGGAGTCCATCAAATTCAACTTTAGACGGATCCTTAGTTTTTCTTTGGC
TCCAATTTGCATGCTCAACCTAATTCATTTCTCTTTTCTTCCCTATCAATGAACAATCCGCCGTCTAATGGCG
GCCGGATCCTTGAAGAGAAGGCAGTCTAAGCGATCCATTTCAAAGCCTTCTATAGTCATGGCTTCTCGGCCTTC
TTATCAATCTTTCCTACCCATAGAAGCACTGCCCTCCTAGTTTCCATTTCTTTGATTTTCTTTGTTGTTCTGGTTT
CCGGCATTTCTTTGAATGTATTGCGTAGATCGCCCAAATATGAAGTTCAATCGCCAATGATTTACTCTATTGAG
GTGGTCAACGAATTCCTCACGATCCTCGAGCCTTACTCAGGGACTGGTTTATGTAGAAAATGACACCCTATT

TGAGTCAACTGGCCTCTATGGACAGTCATCAGTTCGAAAAGTAGCTCTCTCTACTGGGAAGACCGAGGTTCTT
CACAAGATGGATGACTCTTACTTTGGGGAAGGTTTAACTTCTTGGGGAAGGCTGTTTCAAGTAACTTGGT
TGAAGAAAAGTGGTTTCATATATGACCAAGACAATTTAAACGAAGTTAAGGAATTCATCATCAAATGACTGA
TGGTTGGGGATTGGCAACAGATGGAATAATTTGTATGGAAGCGATGGAACATCAACATTATATCAAATTGAT
CCAGAGACATTTATAGTTACTAATAAATGGGTTGTGAGATATCAAGGAGATGAAGTGCATAACCTCAATGAGT
TGGAATTTATCAATGGAGAAGTCTGGGCAAATGTTTGGATGACAGATTGCATCGCCAGAATCTCTGTACGTGA
CGGAAGCGTGCTTGGATGGGTTCTCCTCCCGACTTTGAGACGGAAATTATTGCAAGAAGGGGAAACAAATTGA
TGTTTTAAATGGCATTGCATGGGATAGTGGAAGAATCGCCTTTTGTGACAGGAAAGCTATGGCCGAAGCTC
TATGAAATCAAAGTGCAGCCATCAAAGGAGAATTATGGTGATGAAAGGATAAAGCAGCTTTGCTTGCGAGAG
GCAATTACGTTTTGACTAACATTATGGTCATGAACGAGGTTGACATCCACACGAGGTGCAGTCGATATATACA
TGAAGTTCATATTTTTTTAGATAATATTCTGCCTGCACTCGGTGTGATAGCAAAGGAGACCACTTATCTATAT
GATATGTTCAAGTTTCACTATATTACTAAAGTTATGTAATTATAGTCTAAATAAAAAAATACGAGGCAAGTAA
TATTTGTAGGATTTGTGTTTATTCGAATCCTTGTCCTTGAGTACTTTGAATATAGGGTAGTTTTGTATTTTTT
TAATAGTCACAGCACATCATTAAAGGCCAGTCTTAGGAATTAGAGTTGTTTGTATCTTCAGCACTAAGCACAAAC
TCCCTGCTTTCTCAATCATTTTTAATTATTGTTTCATCATTATTTCTTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_155 L14071|Bryonia dioica calmodulin (Bc329) mRNA, complete cds

CCGTCTCCTTCTCCTCCTTGTATGATTCTCCTATTTATATCCCCTTCTCTGCTTTTACTATTCTGACTTCCGCCTC
GTCTGGATCTCTCCCTTCTCATTTTCATCCTCCTCCTTCCCCTTCTCTTCTCATTTCCCTTCCCTCATCAATTTCCAT
GGCTGATCAGCTCACCGACGATCAGATCTCCGAGTTCAAGGAGGCCTTTAGTTTGTGACAAGGATGGCGAT
GGCTGCATCACCAAGGAAGTGGGACTGTAATGCGGTCACTGGGCCAGAATCCAAGTGAAGCTGAGCTA
CAAGACATGATCAATGAAGTTGATGCTGATGGAATGGAACCATCGATTTCCCTGAGTTTCTTAATCTGATGG
CAAGAAAAATGAAGGATACTGATTGAGAGGAGGAAGTCAAGGAAGCTTTCCGCGTGTTTGATAAAGATCAGA
ATGGGTTTCAATTTCTGCCGCTGAGCTCCGGCACGTAATGACAAATCTTGGTGAGAAGTTGACAGACGAGGAAG
TTGATGAAATGATCCGTGAGGCAGATGTTGACGGTGATGGGCAAATCACTATGAGGAATTTGTCAAAGTCA
TGATGGCCAAGTGAGAATCAATCGAACTGAAACCTTAAACCTTAATCTGCTTGAAAATGAAGAGGGATATGG
GCAGATAAGTTGATGATAACATTTGTTTCCCATTTAGGTTGTCTCCATTTGTTTTACTATCTAAGTTTGTCTCT
CTCTCTCTCTCGTTTCCATTATTATTTGTGGTACTGTTTTTTCAGTATCCTGTTTCTTTGCTGCAACGATATCTGTA
GTCTGGCATGTCTGTTGTCGTGTCGGTAGTCTCTCTAATTTTTCATATTTCTTCTACCTGTGATGCTATGAACTCAG
AAACCATTTGTTGATCGAATCAGAAGATTTTGCTTGTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTAATCAAACCCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCCGGACCCAAATCCCCC
AAAAGGGAGTCAAATAACCCCCCCCCCGGCCCGCTTTTAAACGCCGGGACGGGAAAAACCCGGGCTTT
CCCCAATTAAACCCCTTTGAAAAAACCCCTTTCCCCAGTGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCAATCC
CCCTTCAAAAATTTGCCACCCTAAAGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCGCCCAATAAACCCCGGGGGG
GGGGGGGGTTACCCCAAGCGGGACCCCAACATTTGCCAGCCCCCAAGCCCCCCCCCTTTCTTTTTTTCCCTT
CTTTTCCCCCACTTTCCCCGGTTTTCCCGTAAAGCTTAAATCGGGGCCCCCTTTAGGGTCCCAATTTAGGG
CTTTACGGCCCCCAACCCCAAAAAATTTGATAAGGGGGATGGTTCACTAAGGGGCCCATCCCCCTAAAAAC
GGTTTTTCCCCCTT

>trans_s_156 AF324670|Arabidopsis thaliana At1g53240 (At1g53240/F12M16_14) mRNA,
complete cds

AAAACCACAAAGCTACGATCTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGATCCCTTCATTTCCACAAAAACCCTTTCTTCAT
CGCCTTCGTCGCTCTTCTTTCTAACGTTCAACAATGAAGGCCTCTATTCTCAGATCCGTTGTTCCGCCGTTTCC
AGATCCTCATCCTCTAACCGTCTGTTGACCCGTACCTTTGCCACTGAATCCGTCCCGGAAAGGAAAGTCGCCGT
TCTCGGTGCTGCCGGTGGGATTGGGCAGCCATTGGCGCTTCTGATGAAGCTTAACCCACTTGTCTCTAAGCTT
GCTCTCTACGATATTGCCGGTACCCCTGGTGTGCTGCCGATGTCGGTCATGTTAACTAGATCCGAGGTTAC
TGGCTACGTGGGTGAGGAGCAACTCGGAAAAGCTTTGGAGGGATCTGATGTTGTCATCATTCTGCTGGTGT
CCAAGAAAGCCGGGCATGACCCGTGATGATCTCTTCAACATTAATGCTGGCATTGTTAAATCACTTTGCACCGC
CATTGCGAAGTACTGCCCCAACGCATTGTTAACATGATCAGTAACCCCGTTAACTCACTGTCCAATTGCTG
CTGAGGTTTTCAAGAAAGCTAATACGTATGATGAGAAGAAGTTGTTTGGTGTACAACCTTGTATGTTGTCAG
AGCTAAGACCTTCTACGCTGGGAAAGCAAATGTTCCAGTAGCCGAGGTTAATGTTCTGTTATTGGTGGCCAT
GCTGGCATTACCATCCTTCCCCTATTTTCTCAGGCTACCCCAAAGCTAATTTGACAGATGACACTATTGTTGCT
CTCACCAAGCGAACACAAGACGGAGGAACGGAAGTAGTGAAGCAAAGGCAGGAAAGGGTTCTGCTACATT
ATCCATGGCGTATGCTGGAGCGCTTTTTGCCGATGCTTGTCTTAAGGGATTGAATGGAGTTCCCGATGTTGTG
GAATGTTTCGTTTGTTCATCAACCGTCACTGAACTTCCATTCTTTGCTTCAAAGGTGAAGCTTGGAAGAATGG
AGTAGAGTCTGTTTGGATTGGGTCCTCTCTCAGACTTTGAGAAAGAAGGTTTGGAAGGCTCAAGCCCGAG
CTCAAAGCTTCCATCGAGAAAGGAATCCAGTTTGCAAATGCAAATTAGAAGACGTTTGTATTATTACAGTCG
GGACAGGTATATCTGCTGCCCGCATTACCATAAACTCAATCCATTTTGCTTTTCCCAACCCAATTGTAAGTGA
TGATGCTGCTTACGCGCAATCGGCTTTACTGTTTTTGTAGGGTAGATCATTTTCTCTGTATAAATTTTATCA
ATAATCCCCATGGCATGTTTTGAGGGATTGTGGTTGGTTAGCCTTGATCCGTGATACTTCATTAGAATCTT
CAATTTTAAATATTGAGAATCGTCCAACCATTTGGAGTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCGCCCCCAAAAGCTTAATAAT
ACCCTCAACCCCA

>trans_s_157 NM_001060059|Oryza sativa Japonica Group Os04g0556300 (Os04g0556300)
mRNA, complete cds

GATCTTCATGTTCTGTTCTCATCAATTCGCTCTTCTCACAAGAAATTTCTTCTCAGCGTTCGATCTTTATCT
TCTTCACCTCTGCTTCAAATACCCGATTTTTTCCCGATTCCAAGCAAACCCTTTGCAATATCCACAGTTTCCTT
CTGTTACTCGTTTCGTTTACCAGTAAATTCACGTTCTTCGCTTATTGCCTCGTTTTGACTCGCTTGGATCATAC
TATGGCCACCCCTTCCAAGACTTCAGTCCATGACTTCACCGTCAAGGATGCTAAAGGGAATGATGTTGACCTCA
GCGCTTACAAAGGAAAGGTCCTTTGATTGTCAATGTCGCTTACAATGTGGCTTGACTAATTCGAATTATACT
GAACTGAGTCAGCTGTATGAAAAATACAAGGGCCACGGATTTGAGATTCTTGCAATTCGTGCAACCAATTTG
GAGGCCAGGAACCCGGATCCAACGAAGAGATTGTGCAGTTTGCTTGACCCGTTTCAAGGCTGAGTACCCCAT
TTTTGACAAGGTGGATGTGAACGGAAACAATGCTGCTCCTCTGTACAAGTTCTTGAAGTCAAGCAAAGGCGG
ACTCTTTGGAGACGCCATCAAGTGGAACCTTCCAAGTTCTGGTCGACAAAGATGGAAACGTCGTCGATCGT
TACGCCCCAACGACTTCCCCACTCAGCATCGAGAAGGATGTGAAGAACTGCTGGGAATTGCTTAAGTATCTG
AAGGGCTATATTTCCCTTGTTATTTAGAAACAAGCAATGAAATGAATAAAAAAGTTTATGTGTATTTGATCTGAT
GATGTTGTATGCATGTGGTTTCTGAATCTTGTTCTATTCCATGTATTTATAAGACTGTAAGTTAAGAATTATGTA
ATAAGTTGGCCGATCAGCTTTGATGTATCCCAAATGTAGCCTTTTTTGCCTCTATTGGAATTTCTGAGCAGAC
AGATTATGCAAGAAAAATGATGATTTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGG
GCCCCCCCCGCCCCCAAACTTTATCAATCCCCCAACCCCAAGGGGGGCCCCGGACCCATTTCGCCAAAA
GGGAGCCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCTTTTTAAACCCCGGGCGGGGAAAAACCGGGGCTTTCCCA
ATTTAATCCCTTTGAACCAACCCCTTTTCCCAGTTGGGAAAAACCAAAAGCCCCCCCCCAATCCCCCTCC
CCAACATTTCCCACCTAAAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGAACCGCCCCATTAACCCGGGGGGGGGGGG
GTTTACCCAAGCGGGCCCCCTACCTTTGCCAGCCCCCAACCCCCCTCTTTCTTTTTTCTTTCTTTTCCCC

CCACTTTCCCGGTTTTCCCGTAAAGTTTAAAATCGGGGCCCCCTTTAGGTTCCCAATTTAGTGTTTAACGGC
CCCCAC

>trans_s_158 AB281271|Nicotiana tabacum NtZIP60 mRNA for basic region leucine zipper
protein, complete cds

GACCATTAACCACTAACCCCTAAAATCCCCTTCTTCTCTTCCAACCTCTGGAGTACATAGAATTCCCTCTCCCCTCC
TCTCTATATACTCTCACCTTCTTTTTCCCTTTAATGGAGGAGGATCTCCAGTTCTCCGAATACGATGACTTAA
GCGGACAGATTGATTGGAACGACTTCTTTGATGAATTCCCGGAGGTGGAAATTCCTATTGTCGAGGACTCGGC
ATCCCCGACTCTATTTCTTCTGGATCAACCATATCGAAAACGCCTTATTGAATGACGATGAAGACAACGGCC
TGGGCTTTCCCTTCCCACTCTACTCACGATTTATGTGATAGTTTTTTGGCTGACGTTCTCGTAGACTCTCATG
AAGAACCCTCCGTAATCGACGTCGATTCCAATGCTTCCGACTGCGGTAACGATTTACCAATTCCCAGAAAGA
GGATGTACATAAGGTTTTCTCTGCCGCACCCACAGACGATTGCTGTGTCAGTTTTATGGCTGATGTAATTGCGAG
ATGCACATGGGAGGTCTCTGGGGTTGATGCTGTAGTTCGATGTTCTCTCCAATGCTTCCGATTGCGGTGACGA
CTCGAACAATTCCCAAAAGGAGAAGGTCGACGCACCGAACATCGATGAAAGTGTAGGTGAAGATGTTGGTGA
TGCTGTCTCCAAAAAGCGGCGAAGGCAGCTGACAAATAGGGATGCCGCAGTAAGATCTAGGGAGAGGAAAA
AGATGTACGTAAATGATCTAGAGATGAAGAGTAAATTTCTGAAGGTGAATGCCGGAGATTGGGGCGTTTGC
TTCAGTGTTACTGTGCTGAGAATCAAGCGTTACGCTTTAGTCTACAGATGGGAGGCGCTTCTGGTGTTCCTG
ACCAAGCAGGAGTCTGCTGTGCTCTTGTGGAATCCCTGCTGTTGGGTTCCCTGCTTTGGTTAATGGGCACCGT
TTGCCTGTTACCCCTTCTCGACTCCCAATCAACTCTGGAACCTGTCCACAAGAGAGAATGGAAAACGAA
GGTCCAGGAAGCGCGCTCTCAACGGGAGAGAAAAATAACAATTCATTAGGTCATACTCTCACTACAGACTA
AGAGGTGCAAAGCAGCGAGAACAAGAATGAAACCAAGTATGTTAGATGCGATACTTGGGGCTAGTTCGGCTC
TGATTTGACTTAAATGTTGTAGGATTTAGAAGTGTACCGTTTGCTTCGATGGTTAAGCTAGATGGACACTGA
ATGGTATGAATAAACGAAAGGAAACACTATATCTTAACTTTGACTTGTGTTCTATATTTGGTGAAATAGATAT
GTCATCTAAAAGACAAACACATGCGAACGATGGATTGCATCTCGTATGCATTGGTGGTGTCTAGTTTATGTTAT
TATCGAAAAACAATATGTGGTTGTAAGCTTGAAAGGGTTGCAGCCGTTGTCATCCATTTTAACTTGTCTTGTCT
ATTTAGAATTGTACCCATAAGTTGAGAGTCGTCTAAAATTACGGTTTCTTCTGTCTTTATTAATATTTAATTCA
ACATTTATTTTAAA

>trans_s_159 AJ428214|Nicotiana plumbaginifolia mRNA for SDL-1 protein (sdl-1 gene)

AGTGATTTGCTGAGAATTTTGAATTTGTTTGGTATTTTCGATCTTATATGCATTACAACAAGCACTTCTGCTGGTT
TAGAGCAGACTTTACCCTGGATTTTTTACCACAAGGTGATTGGAGTTTCAAACTTTTCTTTTCGTAGAAGGA
AAGGCTGCCTCTCCAAATGTTTCCAAAGTTTATAGAGACCATTCGGGAGTGAAAGTTATATACAGAACAAAAG
AGCTAGAAGAGCAGCAAAACAAAAAGTCGGATTTGGAATGAGACATGGTTGTCAAGCTTCTTCTACAAACCAT
GCAATTATGAATTGTTTCGTGAAGCAGTCTCTGAACATGGAAATGGCTATTGTCATGGCCAGGAGTGCTGGTAT
GGATTGGATAATCCACCTGGATACTGATGAACTGATGCACCCTGCGGGCACGCGGGAGTATTCATTGAGACA
ATTGCTTGCAGATGTGCCTTCAAATGTTGATATGGTTATTTTCCCAAAATATGAGAGCAGTGTTGAGCGAGAT
GATGTCAAGGAACCTTTTCAGTGAGGTTTCGATGTTTAAAAAGAATTATGACCATCTACCAAAGGATGTGTACT
TCGGTAATTACAAAGATGCAACCCGTGGCAATCCAAACTATTTCTTGACTTACGGAAATGGAAAATCAGCTGC
TCGGATTCAAGACCATCTTCGTCCAAATGGGGCACATCGATGGCACAATTACATGAAAACCTCCCAACGAGATC
AAGTTGGATGAAGCAGCTGTTCTACATTACACATACCCTAAATTTACCGATTTGACTTCAAGACGTGATCGATG
TGGCTGCAAACCAACAAAGGACGATGTTAAAAGATGCTTTATGTTAGAATTTGATAGAGCTGCTTTCATAATT
GCTTCAACTGCAACAGAGGAAGAAATACTACGCTGGTATCGTGAACGGATTGTGTGGACTGATAAAGCACTA
AATTTAAAACCTTTTAAAGAAAGGTATTCTGACTCGCATTTATGCACCTATGGTCATTATTCAAGGATTGAGGAA
TTCCGGCATCTTTAGTTCTGTAATCTCATCTGCTGTTCAAATACACTTGCCAAAGATCAATTCTTATCATCTGCC

GAGAGTAGAACTCTTCTAGACGAATTGAATCTGGAGGTTTATCTTCTAGAAAGGTTGGTATTAATAGGGGAG
ATTCTCAAGCAACTGCCAGAAAGGTCTGGAAATTGTGGACAATCTTTCTGATCTTTTCTAGCTATCCCACCATT
TCTCCCCCAGCCTCGACGAAGACGTTCCCGTTCCTGTGGACACATAATTATCATCATCCATCATCGTAAATTGT
TTCGATTTTACACAGTCTCGGTTGTAGGATTTGGAATTCATTAGTCTGGCAAAGGAGGGAACCTTTTACCAAG
AGGTGACTGATCGATCCCTAGCCTTGCCATGAAAAATTCGAGTGTGTTGATTCATGGGGTCTTCCCGATCACTG
TCCAAGCGGCTGACGTACATTTAGGTTTAGATCTTACAGTCTATAGAGTTAGAATTGTAGAGAGAGCTTGG
TTTTGGATTATTTGTC

>trans_s_160 XM_002310330|Populus trichocarpa methylenetetrahydrofolate reductase
(MTHFR1), mRNA

TGATCTGATTGTTACTCAACTCTTCTATGACACTGACATTTTCTCAAGTTTGTTAATGATTGTCGTCAAATTGG
AATTACTTGCCCAATTGTACCTGGTATTATGCCCATCAATAATTACAAAGGTTTCTTACGCATGACTGGCTTTTG
CAAACTAAGATTCCAGACGAGATCATGGCTGCCTTAGAGCCTATCAAGGATAATGAAGAAGCTGTCAAAGCT
TATGGAATTCACCTTGGAAGTGAAGTGTGTAAGAAGATTTTGGCTCATGGAATCAAGACTCTGCATATTTATAC
ACTGAATATGGAGAAATCGGCATTGGCTATACTAATGAATCTTGGTCTCATTGAAGAGAGCAAAGTCTCTAGA
TCCTTGCTTGAGGCGACCGACAAATGTTTTCCGTGTCAGGGAGGATGTTTCGTCCAATCTTCTGGGCTAATC
GTCCTCGAAGCTACATATCAAGGACCATAGGTTGGGACCAAGTACCCCATGGTAGATGGAGTGATTCTAGAA
ATCCTTCATATGGGGCATTGACTGACTATCAGTTTATGCGGCCACGGGCACGTGACAAGAAGCTTCTTGAGGA
ATGGGCACTCCCATGAAAAGCATTGAAGATGTTTATGAGAAATTTATGAAGTACTGCCTTGGAAGTTGAGA
AGCAGTCCGTGGTCTGAATTAGAAGGTCTTCAGGCTGAGACAAGGATGATAAGTGAACAGCTTGGGAAAATT
AACATGAAAGGTTTTCTTCTATCAACAGCCAACCAGCAGTTAATGGAGAAAGATCTGATTCTCCTTCCGTAGG
ATGGGGTGGGCCAGGAGGTTACGTTTATCAAAAGGCGTACATTGAGTTTTTCTGTTCCAGGGAAAAGTTGGA
TGCTATTGTTGACAAATGCAGGGCCCTTCATCTCTCACCTACATGGCGGAGAATAAAGAAGGCATTTGGGTA
TCCAACGTCACTCAAAGGATGTGAATGCTGTAAATGAGGAGTTTTCCAGCCAAGAGATCATCCCACCAA
CCGTTGTCGATCCGGCCAATTTTTCTTGTGTGGAAGATGAAGCGATTGAGATTTGGTCAAGGGGATGGGCT
GCCTTGATCCTGAAGGCGACTGGTCCCGAAAGTTGCTTGATGAGATACACAGCAGCTACTACTTGGTGAGTC
TGGTGGATAACGATTATATCAATTCGACCTCTTGGCTATTTTGAAGACTTCTGAGATGACCTCTGCTATTCCT
TTCCATGATTCTAGCTTTATCTCCATCTTTCGATTTACATTGAAGCTTGCATAAAGATAATTCAAGAAGAATT
TAATTTTATTTCTTTTTATCTTTTTTTTTCCCCACATTTCCGTTTGTTGAGTATATAATATAATTTCCCAAAGG
GGAGGGGTGTCCATTTAAATACATTAGAAACAATTTTGGGATTTTAACTTCCCGAGGTTGGATGTAATGTAT
AAATCATTTGTGACTGAAGTGTATATAGATTATAAATATCTCTAAAGGTGGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_161 AF367433|Lotus japonicus phosphatidylinositol transfer-like protein III (LjPLP-III)
mRNA, complete cds

ATTACCCGGAAACTCTCAGCCAAATGTACATTATCAATGCTGGTCCTGGATTTTCGGATGCTATGGAACACAGT
GAAGTCTTTCCTTGACCCCGAACAACATCTAAAATCCATGTTCTCGGGAACAAGTACCAAAACAAATTACTTG
AAATAATTGATTCCAGTGAGTTGCCGGAATTTCTGGGCGGAAGTTGTACATGTGCAGATATGGGGGGATGCC
ATCGTTCAGACAAGGGGCCATGGAGAAACCCAGAAATTTTGAAGATGATTCTTAATGGTGAAGCACGACGTG
CCAGACAGGTTGTAAAAGTTCTAAATAGTGAAGGAAAGGTAGTTGCGTATGCTAAGCCACATTACCCAATGGT
GAAAGGCAGTGATACATCAACGGCTGAGTCAGGATCTGAAGCTGAAGACATCGCTTCTCTAAAGCAATGAA
GAGCTATTCTCATCTTCGGCTGACTCCTGTTTCGAGAAGAAGCAAGAGTTGGTGGGAAAGGAGGTTTTGCCGCT
AACTTTTCTGGGTATGATGAATATGTTCCCATGGTCGACAAAGCTGTTGATGCTGGATGGAAAAAGCAAGTTT
TCACTCCAACGACCTAATGCCTCTAAAGGGGTTCTTCCACTGCCAAACACTGAAAAATCACCTGAAGCACTTCA

TTCTCGAATGTTGGTAGTATTCATGGGCTTCTTCATAGCCATTTTTGCTCTTCTCCGTTCACTGACATTCCAGATA
AGTGGGAAGAAATTGTCTATTGGTAGTCAAAACACTGCCGAAGTATCAGCCCCGATAAAACAGCCACTGAG
GAAAATCGCCCCCTTACCAATTGCTAAATTTACAGAAGCAGAACTCCTCTCTAATTTGATGAAGAGGCTGG
GTGAGCTGGAGGAGAAGGTGCATACGCTCCAATCAAAACCATCTGAAATGCCATATGAGAAAGAGGAACTGT
TGAATGCTGCTGTCTGCCGTGTTGATGCCTTGAAGCAGAGCTGATTGCTACCAAGAAGGCTTTGCATGAAGC
ATTGATGAGGCAAGAAGAACTACTAGCTTACATCGATAGCCAAGAGGAAGCAAAGTTGCGGAAAAAGAAATT
TTGCTGGTAAAAATATGCGTCCTGGTCTCGGACTCGGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGAGGATTTGCTAAACG
CAGCTGGCTCTCGTGAACGGCTATGACTCGGAGTTGAGAGAAGTCTTATGGTGGCTGTTGATGTGACTGACT
TTTATATTTCACTGATGTGATATTATGTCTCCGATGAGGAGAAAAACGCATGGGAATAGTTTGTGTGAAGAAA
TTACAATGTGAAGCTTTTGAATATATGATGTTTATGCTGTAAGATTTTTATGTGTTTTTCTACCCTTCATCCAAA
TGAATTGGAACGCCACCCCAATTCTCAAAGTTCAAATATTACAAAATATATATATATTGGTCTAATTAACAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAATCGGACCACAAAAAG
CTTAACGAAATCATTATAAAAAAA

>trans_s_162 NM_123984|Arabidopsis thaliana LEM3 (ligand-effect modulator 3) family protein /
CDC50 family protein (AT5G46150) mRNA, complete cds

CGCCACATCTCGTGATCCAATTTTCAGTTCTATACTTCTCTTTCATGTTTAGATTTCATGGTCATCCTTTATCGTT
GGATCAAGTTAGGAATAAGTAGAGTTAATTATGTGATGTAAATTTGTGTTACGTTTACCCATTGCAATTTCTG
TTTCTGTTATGTGGAAGAGAGCCTTTAAGTTCCTGTTATGTGTGTGCGTAATCAATTCATCCGGTCGGCCTTA
TTCGAGATGTTTGGCATTGTCAGGGCCTCAGTAGCTGACAGAAGATTCTGGTCCTGTCTTCTGTGCAATAG
CTTTGAAACATAGGGGCATTGCAAGTTCGTAGAACCTTTTTTTTTTAAAGGTCTTCCCATTTAAGATTATGAA
ATCTATGGATTTGGATGGAAGCAGCAGCTTAGTGGCCTCTGAAGGATCGATCAGTTCAGCTGGACATGTACA
AGCAAGGAGACATACAGCCTTTTATCGTTTTACACAAAACAGCCTACCAACTTGTAAGCCTGTGTTGACTCCTA
CATGGGTATTTCTGATTTCTTTAATGGGAAGTATTTTCATTCTGATGGGCTTCTTGTCTTCATGCTTCCCA
CAGTGTTGCTGAAATTGTATACAGATATGATACTGAATGTGTACCTGCGTCATATAAAAAATAATATGGTGGCG
TATATTAAGATAGTTTCAGTTCTAACTTTGCTCCTTTCCATAAAGGTCAACAAGACTATGAAAGCTCCAATT
TACATTTACTATCAACTAGATAACTACTATCAGAACCACCGGAGGTATGTCAAAGTAGAAGTGATAAGCAGC
TGGTACATGGACTGGCATAACAAGTTCCTGCAAACCATACAGTCGCATAATGGTCTTCCGATTGTC
CCTTCTGGGTTGATAGCATGGAGTTTGTCAATGACACATATAAGTTTGTCTTGGGAAATCTGAATTGAAGGT
GAATAGGAAGAACATTGCATGGGAAAGCGACCGTGAACATAAATTTGAAAGCATGTATATCCTTTAACTTT
CAAAATGGAAGCTTGATTGGTGGTGGAAATCTAGATCCAAACATTCTCTGAGTGATCATGAAGATCTAATTG
TCTGGATGCGCACTGCCGCTCTTCCAAGCTTCAGAAAGTTATATGGTAGAATTGAAGAAGATTGTCATGCCGA
TGATGTTTTACCTATAAAATTAATGAACAATAACACGTACAGCTTTGGAGGAACAAAGAACTTGTTATTT
CAACATCAAGCTGGTTGGGGGGAAGAAATGATTTCTTGGATGTGCCGACATTTTGTAGGATCCTCTTCGCT
CCTGGTTTCTATATTCTTACATTGCTACACATGAAATCGAGGCCCTTCAGGGAAATAAACTTTTCATCTAGGA
ATAAAAGCAGCAGTACGGATTAATGATATATTCTGTGAGCAGTTAGTTTCATAAAGATCACAAGTTTCTCTCT
AATTGGTTGTAAGTTTCAAAGAAAAAAGAATATACTCGAAAGAAGAATATACTCATTGGGTGCGACTGTTTCG
TTGG

>trans_s_163 XM_002866017|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

AATTCACAAACCCACGCCGCCGCTGCTATTCAAACCAATCCCAAATCCCTCACCTCCCTTCCCTCTTTTCTCT
GCCAAGCTAGCTCATGACGCCACCGCCGCCGCGCATGACCAAGCTTTGCCGAAAACCTCGTCCGCTGGAGGCTCC
TTGAACGGGTCTCCCTTGTCGTCACCTTCTCCGCTTCATCTGGGATAGGCTTTTTTCTGTTCTTCTGGAACCA
CTCCTAAAAGATACCGCCGCTCCCTCCCGTTCTCCACCTCCCGCCACCGACGGTGGCTCCTCGCCGAGCAG

CCTACCACTAGCGGTGCCTTCGACTCCGATTCCGATTTGACTCTGCTGATTTGGTTTCTCTTAAGATTAGTCTC
TTGGGAGATTGCCAGATTGGAAAACTAGCTTCGTGGTTAAATTTGGCCTCTTATATAAAGTTCATTCTAGACT
TTAATCTCTCTCTCTCTTTAACCCTTTTATTTTTTGTGTTCTTCGATTTTCATTAGATCAAGTATGTGGGCG
ATGAGCAGGAGAGAAATAGCTTACAGATGAGTGGAATAAACCTAATGAACAAAACATTAAGTATCCAAAATG
CTCTGATTTCTTTCTGTATCTGGGATGTTAAAGGTGACAGCAGTTCACAAGATCAGCTTCCATTAGCCTGCAAA
GATGCAGTGGCAATCTTGTTTCATGTTTCGATCTCACAAGTCGGAGAACTTTGAACAGTGTGTTGATTGGTATAC
GGAAGCGAGGAAATGGAACCAGACAGCCATTCCCATTTTGATAGGAACCAAATTTGACGACTTTGGTCGACTC
CCACCCGATTTGCAGTGGACAGTTGTTAGTCAAGCAAGAGCTCATGCCAGAGTTATGAAAGCTACTCTATTCTT
CTCGAGCTCCATTACAAACATCAATGTCAACAAGATTTTTAAGTTCATAGCAGCCAAGCTGTTTGACATACCGT
GGTCTGTTGAGCGGAACCTCACTATTGGAGAGCCGATAATTGACTTCTAACTTTCTGTACACTCAACCTGATTC
TGATGTACATACAATACGAAAGAAAAACACATAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGTAGGAG
AAAATTTTATCCTTTTTCCGAACAGTTGATCTATCATCTGTTGGGATTTGTTATCTGATATCTTATTTGTAAC
TTTTTGTGTTGATCAAAGTGAAGGTATTCTTATTTGACGGAATAAAAAGAAAGAAAAATAGAGAATGGATGA
GATTCCTCTTTACTCAAGGACAGATTACATTTGATTGCATTAGAGGGGAGGGTATGAAAAGAGATTCTGGTGGG
GATTATTATTTTCCATAGCTAATAGAAAAGCAGCCTATGAAGCTTTTCTGTTTCATTACTTTGGGAGACACAAT
CCAAGGACGAAGCAAACCTCATGTCCAGCTCCAACCTCCAACCTCCCGTGTGATTTAATGTCTTGAAATTAATATG
TAAATAGAGTTTCGAATGGTTTGAAAATATGAAATGGAAGTCGAGACCTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_164 AF043538|Arabidopsis thaliana 20S proteasome beta subunit PBG1 (PBG1) mRNA,
complete cds

GGGAGAAGAGGACGATCTGAAAAATCATTTCTTGAGCGAAGGGAAAAGAAGAGCTCTACTAAAGCAGTCGA
AAAAAGAAAACCTCAAACCTCGCTGCGACTCTCGACATTGATTCTGTTTTCAATTCATTTGCCAAAGTTAATCG
ATCCGAACATGAGTCCCTCTGATTCCAACCAGGCGAACACGGTCTTCTCTGCCCAGGAGCGCAATTCAAAG
AACCCAGTATCCTTATGTGACTGGTACATCCGTGGTTGCTATCAAATACAAAGATGGGATTTTAATGATTGCCG
ATTTGGGAGGCTCCTATGGTTCTACACTGCGGTATAAGAGTGTGGAAAGAATAAAAGCTATTGGAAAACATTC
TCTTCTTGGTGCTAGTGGTGAAATTAGTGACTTTCAGGAGTTATTGCGAAATCTTGATGAGCTCATCTTGTATG
ATAACATGTGGGATGATGGTAATGCTTTGGGGCCAAAGGAGATCCATAGCTACTTAACTCGACTGATGTACAA
CAGGCGGAACAAGTTCAACCCACTTTGGAACCTCACTTGTTCTAGGTGGGGTGAAGAATGGGCAAAAGTATCTT
GGCACGGTTAATATGATAGGTGTAACCTTTGAAGATGACCATGTTACTACTGGTTTTGGCAATCACCTTGACG
GCCTATTCTTCGTGATGAGTGGCATGAGAACCTGACTTTTGAAGAAGGTGTGAAATTGCTGGAGAAGTGCAT
GAGGGTACTCTTGACCGTGATAGGTCTGCTGTCAACAAGCTCCAGATTGCAAAAATAACTGAGGAAGGTGT
GACAATCTCCCAACCTACTCTTTGAAAACATTCTGGAACCTACTCTGCTTTCGAGAATCCGACTTCTGGTGCTGA
AGGTTTCATGGTAGATTGAAGCTACCATGTTTATCTCAGATCACAATTTCTGTAATTGTTCTTCATATCATCAGAT
GTGAAACAATTGACAGATAAAAGTTAGGGTCTCTTAGATACTTGTTCTTACCTTGATTTGTATGGAATCTCTA
CTTGAACCTATTATCAGTTATATCCAACCTCAATGAATGCTTTGATTTGATTGTCTTGACTTCTTTATAATCACAATC
GATTTCTTTTTTAATTATTAATCTGCCTACTCAATCACTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCGCCCCCAAAAATTTTAAAAACCCCCCAACCCGGGGGGGGGGCCCCGGC
CCCCATTTCCCCAAAAGGGGGGTAAAAAACCCGGCCCCGGGGGCGGTTTTTAAACCCGGGGGGGGGGGA
AAAACCCGGGGTTTCCCAATTTAATCCCTTTGAAAAACCCCCCTTTTCCCCCGGGGGGAAAAAAAAAAAA
GCCCCCCCCCATCCCCCCCCCAATTTTCCCCCCCCAAAGGGGAAGGGAACCCCCCGGAACGCCCA
TAAACCCGGGGGGGGGGGGGG

>trans_s_165 XM_002881260|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein S5 family protein, mRNA

AGAGTCCATTGGGATAAGCCTCCATCTCTGAACCCACAAGCCTTCTCAATCCTTCCTTCAATGGCTTCTTCAACT
CTCGTCCCCATTTTCTCTATTTCCCTTCGTTCTTCTCCTTCCCACCGCCTCTCAATTCCACTTTTCAAGCCTTTCCCC
CTCCTCCATTCCCCTGTTTCCGTACTCTCAATCTCCTCCTCCTCCTTCTCCTCCATTCTCTTGCAACTCGAGCCAA
ATCCTCTGACACCGACACCACCTTCTTCGACAACGTCAATCCCGATGAAGACATCGCTTTTGACCCTCCCGAAG
TCCCCGAAGGCTTCGTCCCTCCACCCTCCTTCGACGAGGGCCCTATGGAAACCGAGGAAGAAATTGCCGCTGC
TTACGAGGAGATCTATGGCCCCGCTTACAGTGGAGTCAGTGTCTTGGAACGACATTTATGTAATGGATTCT
AAGGTCAAGAAAGCGGGCGGGTTTGGCTCCAAGGCCAAGAAGGAGAAGCCGCGAGATAGGTTTCGATGAGC
GGGTTGTCCAAGTTCGGAGGGTTACTAAAGTGGTTAAAGGTGGGAAACAGTTGCATTTTAGGGCAATTGTTG
TTGTGGGTGATAAACAGGGCCAAGTTGGTGTGGTGTGGTAAAGCTAAAAAAGTCATCGCCGCTGTTTCTCAGA
AATCGGCAGTTAATGCTCGCCGAATATTGTCACTGTTCCCATGACCAAGTATCTAACATTTCCCACAGGTGC
GAGGGAGATTATGGAGCAGCAAAAGTAATGCTAAGACCTGCTTCTCCTGGTACTGGTGTGATTGCTGGTGGGA
GCAGTGAGAATCGTCCTTGAAATGGCTGGTGTGAGAATGCTTTAGGGAAGCAACTGGGAGTAATAATGCC
CTCAACAATGCTAGAGCGACAGTGGTCGCCGTGCAGAAGATGAAACAGTTTAGGGACGTTGCACAAGAGCGT
GGCATCCCCATGGAAGAGTTGTGGAAGTGAAGAGGGAAATGTAATGGTGTCTGCAGAGATCTTGAGGAAGC
AGAATCTTCACAACATCAGAGAAAAGAGAAGCTTTTTTTGTAGACATCTTTATTCTATAACATTTTTTGTACTCTA
ATAAATTA AAACTCAATTTTGTATTTAATACGTTTAAGAAAATCCATTGTCCAAATTGAATCTAAACTCAAAATC
TG TAGAGCAGATTGATATTTTCTAAAATCATTGAAGTGACCACTTGATTGGTATGGTTGGGAAATTATTGTA
CAGCCCATGGGGCTTGAAATTTTCAACTTTTTTTGAAGTGTAAATTA TACTCTTGTCTCTCCACACATTTTGGGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCGCCCCCAAAAATTTTATCAATCCCCCACCCCC
AGGGGGGGCCCCGGACCCCATCCCCCTAAATGGAGTGAAATTACCCCCCTCCCGGCCCGCCTTTTAAAAA
CGTTGGGCGGGGAA

>trans_s_166 DQ083549|Citrus x paradisi pyruvate dehydrogenase mRNA, partial cds

AAATCTCAAACCTCTCAACAAATCTTCTTTCTGATCTTGCCTTCTCATGGCTCTCTCTCACGCAGCTTCCCGATCC
AATCTCCTCAAGCCCCTCGCCTCCGGTTTCTATTCTCCTCCTCCTTCCGCCGTTCTTCTCCTCCGCTTCCGATG
ACTCTGCCACCCTCACCGTCGAGACTCCGTCCCCTTACAGCCCACTGCGACGAGCCCTCCCGTTCTGTCC
AGACTAGTCCCAAGGAGCTGCTCGGGTTCTTCCGTGACATGGCCCTGATGCGCAGGATGGAAATCGCCGCTG
ACTCTCTCTACAAGGCTAAGTTGATCCGCGGTTTTTGCATCTCTACGATGGTCAGGAAGCCGTCGCTGTGGG
AATGGAGGCTGCAATTACCAAGAAGGATGCCATTATTACTGCTTATCGGGATCACTGTACATTCCTTGGTCGT
GGAGGAACGCTCCTGGAGTTTTTCGCGGAGCTAATGGGACGACAGGCTGGGTGCTCTAGAGGTAAAGGTGG
CTCTATGCATTTCTATAAGAAGGATGCTGCCTTCTATGGCGGCCATGGTATTGTTGGGGCTCAGGTTCTCTTG
GATGTGGAGTGGCCTTTGCGCAGAAGTATTCTAAGGACGAGACTGTTACTTTTGCTCTTTATGGCGATGGTGC
CGCGAATCAGGGTCAGTTATTCTGAAGCACTTAACATCTCCGCGCTTTGGGATCTGCCTGTCTCTCGTCTGCG
AAAACAACCATTATGGTATGGGAACCGCTGAATGGAGAGCTGCGAAGAGTCCAGCTTATTATAAACGTGGAG
ACTACGTTCTGGATTGAAAGTGGATGGTATGGATGCTTTAGCTGTCAAACAGGCTTGCAAGTTTGCAAAGGA
ACATGCTTTGAAGAACGGACCAATTATTCTCGAAATGGACACGTATAGGTATCATGGTCACTCTATGTCTGATC
CGGGTAGCACTTACCGCACACGTGATGAGATCTCTGGTGTAGACAGGAACGTGATCCCATCGAAAGAATAA
GAAACTAGTATTATCCTATGATCTGGCCACTGAAAAGGAGCTAAAGGATGTTGAGAAGGAAGTTAGAAGAG
AAGTCGATGAGGCTATTGCTCAAGCCAAGGAAAATCCTTTGCCGGATCCTGCTGAACCTTTCACAAATGTGTA
TGTGAAAGGTTTTGGAAGTGAATCATATGGAGCAGATAGGAAAGAAAGTGAGAGCTGTACTTCCATGATTTTAT
TTAGGTCGAAACACTGCTTTGAACCTCTACACACCACCAAAACCCGTCAGTGGCAAAAATAATAATTGGGAGG

TTTGATTGAAGTTATTTTTCTCTTCATGGGTATCCGTTTGGTAACCTCTAATTTTTCTGTAGATTAGTGAAT
ACATATTTGTTTTCCCTTTCATTAATGGGAAATATTTCAAGTATTTGCCTTGAAATATTTAACCTATATGTTG
GTATATTCATTTGTAAGTGTGAAATATGCTTCTTTGCCTCTTGCATGAATGTTCAATAAAGAGGGAGATCTT
AGGGGCTC

>trans_s_167 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GTAAGAGACTATGATCCAATACTCGCTCATACTCGCTCGCGAGCTACACGCAGTAGACATCGTGATGCAATC
ATATCACATCTGAACTGGGTGTGTATATTTTAGGCTTTCACAGTTTTGGTTTGTATATTCATAACGATACCATG
AGTGCTTTAGGGCGTCCCCAAGATATGTTTTAGATACCGCTATACAATTACAACCCGCTTTTGCTCAATGGAT
ACAAAACACCCATACTTTAGCACCTAGTATAACGGCCCCCGGTGCAACAACAGGCACCAAGTTTGACTTGGGGG
GGTGGTGATTTAGTGGCAGTGGGCGGCAAGTTGCTTTGTTACCTATTCCGTTAGGAACCGCAGATTTTTGG
TACACCATATTCATGCATTTACGATTCATGTAACGGTATTGATACTCCTGAAAGGTGTTCTATTTTCTCGTAGCT
CGCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTTCCCTTGATGGACCCGGAAGAGGGGGTACATG
TCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTAGGGCTATTTGGATGTACAATCCATTTCCGGTAGTAATATTCCA
TTTCAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTGTAAGTGATCAAGGGTAGTAACTCATATTACGGG
AGCTTCATTTGCGCAGAGTTCTATTACTATAATGGGTGGCTTCGCGATTCTTATGGGCACAGGCATCCCAGG
TAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGCCTGTTTTCTAGGTGCTCATTTTGTATGGGCTTTTAG
TTTAATGTTTCTATTCAGCGGGCGTGTTATTGGCAAGAACTTATTGAATCCATCGTTTGGGCTCATAATAAAT
TAAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTGTCCAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTA
CCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTAGCAAGAATTATTGCAGTCGGATAATGGCTAGGA
GGATTTGAAAGGCATTATGGCACTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCCCCTGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTC
GTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGTGCAATCCTAGGGATCATGATGATATTACTGAAGAACGTCTTTATCAG
AATATTTTTGCTTCTCATTTCCGGGCAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTTTTCATGTAGCTT
GGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCACGGGTGGATCC
TCATTTTGGTCAACCGGCCGTGCAAGCTTTTACTCGAGGTGGTGCTCTTGGCCAGTGAATATCGCTTATTCTG
GTGTTTATCAGTGGTGGTATACAATCGTTTACGCACTAATGGGGATCTTTATACTGGAGCTCTTTTCTATTA
GCGTCGAACAGCCAAATCAGAAATAACGGATTGGTTACATCTACAACCGAATACCCGGTTTAGCGGGGAAAC
CAA

>trans_s_168 FJ360448|Vigna radiata vacuolar ATPase subunit d mRNA, complete cds

ATAATCGATTTGCTGATTCTGCAACTCGGATCCCAAAAAGGAGCTTCAAATTCTCCGATTCCAGGGCCTTTTTCT
CTCAGCAATCAGAATTATTCGTACCCTTCACAGTTCTGCTTCGTTAGGTTTCTCTCGGAGGAGGCGTTTGGTTTC
TTGCCATTGCTCTCCCCTTCCCTTCCCCACTCCAGATCTTCTCCTCATTATTTCTCTTACCGTTTCCATCAGCTT
CTAGAGAATGTATGGTTTCGAAGCCCTTACCTTCAACATTCATGGAGGCTATTTGGAGGCCATCGTCCGGGGA
CATAGGGCTGGGTTGCTTACCGCCGCTGATTATAACAATTTGTGTCAAGTGCAGAAACCCTAGATGATATCAAGA
TGCACCTCTCTGCCACTGAGTATGGCCCTTATCTCCAAAACGAACCATCTCCATTACATAACAACGATTGTG
GAGAAATGCACCCTAAACTGGTTGATGAGTATAAGCACATGTTGTGCCAAGCCACCGAGCCTCTGTCTACCT
TCTTAGAGTATATCACATATGGTCACATGATTGACAATGTTGTCCTCATTGTTACTGGAACCTGTCATGAGAGA
GATGTTTCAGGAACTGTTGGAGAAGTGCCACCCTTTGGGCATGTTTGACAGCATTGCTACCTTGGCAGTTGCTC
AGAATATGCGAGAACTTTACAGATTGGTGCTTGTGACACCCCTTTGGCTCCATACTTCTCAGAGTGTATCACA
TCTGAGGATTTGGATGACATGAACATAGAAATTATGAGGAACACTCTCTACAAGGCATACCTGGAGGATTTCT
ACAGGTTTTGTCAGAACTGGGTGGGGCCACTGCTGAGATTATGTCTGACCTCCTTGCTTTTGGAGGCAGATAG
AAGGGCTGTGAATATTACCATAAATAGTATTGGGACTGAGCTTACCCGTGATGACCGAAGAAAGTTATATTCC
AATTTTGGCTTACTTTATCCCTATGGTCACGAGGAACCTTGCAATCTGTGAAGATATTGATCAGGTCCGTGGTG

CATGGAAAAATATCCTCCCTACCACTCAATTTTTTCCAAGCTGTCATATGGAGAGAGTCAGATGCTTGACAAG
GCATTCTATGAAGAGGAGGTGAAAAGGCTATGCTTAGCATTGAGCAACAGTTCATTATGGTGTTTTCTTTG
CATACATGAGGTTGAGGGAACAGGAGATTAGGAACCTAATGTGGATTCGGAGTGCGTCGCTCAGAACCCAGA
AGTCGAGGGTTCACGACAGTGTTGTCTTCATATTTAGTCGGATTATTAAGAAAAAGAAAAACCCGTCTTAATTAAT
CATATTTGTTTCTGTTTTGCATAATCACTGTAAAATCATGCTCCATCTTATCCTATATTGTGCTGCAGAGGA
GATGGGGGGTTCATACATTCTTCCATGCAAGACTTTCATGTCTAAATAAGTGCTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTT
GATGTATTAATGGGTTAAAATTGGGTGAGAAATCATTGTACTGAGAAGAATGATATCCAGATACTTGATGTGA
A

>trans_s_169 NM_001051816|Oryza sativa Japonica Group Os01g0929100 (Os01g0929100)
mRNA, partial cds

AGAACAAAAGGCGGGGATTTAACGTTCAAGATTAAGACGATAAACCCAAAAATGGCCTCCTCTTCTCCCT
CCCCGTTCTTTCTTTCAATCCAATCCCCAAAATCATCTTCGGATCTTCTGAAATTGTTGCTGCACCGTTTTCGATT
CAAACAATTCAGGGAAGCAACGGAATCTCCTCCTCCAAGTTGCTCGGAAAATTGACGAGGAGAAGCCTCTCG
CGGCGGCTGAATGCGGCGGGATTGTCCGAGATTGAACCCGACTTAAACGAAGACCCTGTAGATCGTTGGGAA
ACCAACAGCGTCAGCCCTGAAGATTTTGAGTATGGAGTATACGATGGACATCACACTTACTTTGAAGGGGAG
AAGAAAGGAACATTCTGGGGAGCCATTGCAGATGATATTGCTGCAGTTGGACCCCCAACAGGCTTTCAGGGC
CTCATGTCTTGGCTCTTCTACCAGCAGTTGCTGCTGGAATGTACTTCAATGTTCCGGGGGAGTATCTATACAT
TGGAGCAGCTATATTTACAATAGTATTCTGCATAATCGAAATTGACAAGCCAGACCAGCCACACAACCTCGAA
CCTCAGATATATAACATGGAGAGAGGGGCTCGTGACAAGTTGATATCAGACTACAACACCATGGACATCTGG
GAATTCAATGAGAAGTATGGAGACTTGTGGGATTTCACTGTCAAGAACGATGATATAACAAAGACATGATTG
CCTCCTCAGTGGATGTACATTGTAAGGCAAGTGAGAATTCTTTATCAAAATCTGTATGAAAATGTATATCATAC
AATACAACAATGTTCTTGGTCTTCTAATTATAGTATTAGTGAATGTAAATTGTAATTATGAACTGAACTTATCAT
CCGTTTAGCAAGAATGTTTCTTGTATTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTATAAAACCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCCG
CCCCCTTTCCCCCTAAAGGAGGGCAAAAACCCCCCCCCCGGCCCTTTTTTAAAAACCCCGGAGGGGAA
AAACCCCGGGGTTCCCAAATTAACCCCTTTGAAACAACCCCTTTTCCCCCGGGGGGAAAAA
GCCCCCCCCCCCCCTTCCCAAATTTCCCCCCCCAGAGGGGGAAGGGGACCCCCCTTAACCCCCCTTT
TGCCCGGGCGGGGGGGGGGGTCCCCCGCTTGCCCCCTTCTTTCCCCCCCCCTAAGCCCCCTTCTTTTTT
TTTTTCCCTTCTTTCCCCCTTGGCCGGGTTTCCCGCTAAAGTTAAACGGGGCCCCCTTTGGGTTC
AATTTGGGTTTTCCGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTGATTTAGGGGAGTGTTCCGGAAGGGCCCCCCCC
TAAAAAAGGTTTT

>trans_s_170 DQ335595|Coffea arabica R111 mRNA, complete cds

ATTCTTCATCAAAATTCAATCTCACCAAAGAAACCTGTCCCAGCAATTCCATGGTGAAGAAGATTGTGAGCAA
TATGATCTCTAGCTTGAATCGCACTACCGATCTCAACCCATTATTTCCGGCAACATTTATCATCATAAACCT
CAATCTCAGTCTTAAGCCGAATTTCTCCTTCTCATTTACATATATTATGAAGAACACAACAAGCTCCCAACA
CCACCGGCAACTCCTGCAGTTTCACCTCTGTTCTTTCTGTAAACAAGTCCACCGCCCTTCAACCGCCCGAACG
CCGCCTTCGCTGCCGCTGAATCTCCCCAACTTTCTCATTAAACCCATGTTGTGTCCATGTCAAATTCTGTACTG
TATATGGAACATAACAACCAATCCATTAATGGGTACCCTGAATTTCCGACGACGAACACATCGTTCAATAACCC
ATACTTGCCCTTTCGTAAAGCAATGATTTCTCAAGAACTTGATCGTCCGGCATAGATCCCGGCCATCCGATGCA
AACGTCGGTGAATACTCCGGAGGGATCGACGACGCTTGAACAGTGATGGAGTACGAAGTTTTTGGTTGCG
TTCTGTGTGGCGTTTGTGAAGTAAGCAGCTACGTTGTTTTTGGTGCGATTATTGGGATATGTGTTGTGTAA

TTGAACCAACCACTTTGGGAATTCCTGAAATCGATTCTGAATTCTTGTTTGATTTTGGTTAATTTTGATTCATCTG
GCCATTGGAGGAATTTCCGGCATTAGAACTTTACGAATCGCTGAACAACTTCCAGAACTAATTTATGGCAAGT
TGAAATCCCTAACCCCAAATCTTTTCGAAACTAATCGGAGTGGCTCTCCGGTAGCCAATCGCCATATACAGACT
GCAACACGCTGCCGTACCGGAATCGCAACACGAAGCATTGTGTCTTTTTTCATCACCGTTGAATCCAATTCTTT
ACAGATCATATCGAATGTGGATTACTCATACGGAATGCTCGTCGGAACCTCATCGGGAAAATCCGGGTGG
TTGCATTGATCCCAACATCCTTGGATCGGTCTTTCACCCATAGCCGTCGCTGCTGAGTTCCTCCACCACCGGC
GGGGTTATTTTTACCCGAGAGGGGATTTTCCGGCGATGCACGGCGGGGTTTTTGGGAATTTGATCGGAGAG
ATGGAAATCGTTGGTGGGTTTTGGTTTTTGGGAATCCATGAGCCAACTTTGTGGAGATTCCGGTTGGGGATCG
AACCAACAAGGGAGTTTTAGTAGTGGGTCATCAGTAGGCTCATCGTTTTTCATCAGTGAAAGAAAAATTGTTGA
AGTCATCGGAGTTTGGGTGAGATCTTCGCCGTTTTTGGGTGTTGGATTACATTGAAAGGGGTGGTGGGATT
ATTATCCATATCGGAGAAGAGATTGAAGATAGGTAAGAATTCTTCTTGATTAAGAAATGGGAAAGAGGAGAT
TTCCATGAAATGGAAGTGGGTATGAATGGATAATTTTGTTGAGCAAATGTGAAAAGAGAAGATGGAAGTG
AGAAT

>trans_s_171 AF020814|Pisum sativum glucose-6-phosphate/phosphate-translocator precursor
(GPT) mRNA, nuclear gene encoding plastid protein, complete cds

TTGGAACCTTTGTGATACCCAGTTGGATTCTACCATGATCTGTGCTGTGAAACAATGCTCTAGGGCTATCCATT
GCTCTGATGGTGCTATTTCGGAGCAAAACATCGGTTCTTCTCGACGATCCTCGTTTCTCCACCTCTTCCGGTGC
AAAAACCTCGAACTCCGCTATTTCTGTTTCATAAGGCTGTACATGTTTCTTCGCTTGAGAATTTTGGAACTCTG
GTGTTTCGTAAAGCGAATCTGATCAAATGCGAAGCTTACGAGGCTGAGCGATCGCAGCCGATCGAATCGAGCG
TTGAGTTGCCGCAAAGTCAGGTCCCTTCTGAGGCCGCGAAGAAGGTGAAAATTGGATCCTACTTCGCTCTTTG
GTGGGCTTTGAACGTGGTTTTCAATATCTATAATAAGAAGGTGTTGAATGCTTACCCATATCCATGGTTGACCT
CGACTCTGTGCTTGCCGCCGATCTCTGATCATGTTGATCTCATGGATGACGAGAATTGCCGAAGCTCCCAA
AACCGATGTTGAGTTTTGGAAGTCTTTGTTCCCTGTTGCTGTTGCCCATACAATTGGACATGTTGCTGCAACCG
TGAGTATGTCAAAGGTTGCAGTTTCATTCACTCACATCATCAAGAGTGGTGAACCTGCTTTTAGTGATTGGTT
TCGAGGTTCTTGCTGGGTGAGACCTTCCCGCTTCTGTCTACTTGTGCTCCTCCCGATCATCGGTGGTTGTGCT
CTCGCGGCTGTGACCGAACTCAACTTAAACATGACGGTTTTCATGGGTGCCATGATATCAAACCTGGCATTGT
ATTCCGTAACATATTTTCAAAGAGGGGCATGAAGGGAAAATCTGTTAGCGGGATGAACTACTATGCATGTTTA
TCGATTTTGTCTCTGTTACTCTTGACGCCATTTGCATTTGCTGTGGAGGGACCACAATTGTGGGCTGCTGGATG
GCAAACAGCCGTTTCTCAAATTGGACCTCATTTTCGTTTGGTGGGTTGCTGCGCAAAGTATATTCTACCATCTCT
ATAATCAGGTGTCTTACATGTCCTTGGATGAGATTTCTCCCTTGACGTTTAGCATTGGAAACACCATGAAACGA
ATATCAGTCATAGTTTCTCCATCATCATCTTCCGCACGCCAGTGCAGCCAGTCAACGCTCTTGGAGCTGCCATT
GCAGTTCTTGGAACCTTCATATATTTCGAGGCAAAGCAATGAGGAAAGAAGAAAAGAACCACGAAGTTAAGT
TTATGATAATGTAGCATTTATGTATCGGAGAGGGCAGTGTGTCTCCTAGTAAATTTGAGAGATAAAGATTAGG
TAAAAAGAAAAAGAAGGCGAAGAAAAAGAAGCCAAAGAGGTCGTTTCGGAATATTCAAGACTGGGAACCTT
TATTGTAATGAAGCAGGAGCAAGCACTTGTCTGTTTGTAGATATAAATAATGTTTTAGATTTATAAGTTTCTA
TTTAGGTCGGGTTAAGTAAGGTAATTAAGGATTTTGTGTCAGCTTTGTTTGAGAAGATGAGGAAGGAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_172 HM122645|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR20)
mRNA, complete cds

AAACTATATTTTAACAGTGAGAGATACCAGGATAGTCTTTACAAAAGGAGGAGATTTTTCGACCGAAGCTCCA
TGGTGAATTCTGATGGAGGAATGAGCAGTGAAAGCGTAACCAACTCTCCTGAAAAGAGCGTCCACATCGATA
AGTCTAGTTTAGCTGCAATATTGCATGGAGCAAGTGTTCAACCATCATCAGGTCAACAAGCATCCTTCTCTCC

AAAGATGCTCATGTAAAATTTAGCATTAGATCATTCAAGGTGCCAGAACTATTTATTGATGTCCCCGAAAACGC
AACTGTTGGTTCCCTGAAGAAGATAGTACTTGAGGCAGTAACTGCTATTCTCAAGGATGGATTACACGTCGGG
GTTCTTGTTACGGGAAAAAGGTTAGAGATGATAACAGAACCCTGTTGCAGACAGGACTTACCTGTAAAGATA
ATTTGGATACTGTCGGTTTCACGCTGGAGCCAAATCTTGTGCATAATACTACACCGGCTTTGTGTTCTGAGGAT
CCCCCTCAGATATTAGCATGTGACATGACTGAACTTCACCCAGCTCTCCTGTAAATCCTGTTTCGAGCTCGGT
AATACTAGATGTCGCCTTACCAAATAATTCATTGACCAACTCCCAAACCAAGATGAAAATAAACACGAACTG
ATTACTACCAGCATTGACAAGTTACCTGACAATTCTTTACAAGATTGCAAAGCTTTGGTTCCTGTTCCAGAAAT
GACTATGGAAGCATTAGCTGCAGTTCCTTGAATCCAAATCTAAGCGTTCAGAAGTTATACAGCGTCGAACC
AGGAGACCCTTCTCCGTTTCAGAAGTAGAAGCGCTGGTTCAGGCTGTTGAGGAGCTAGGAACTGGAAGGTGG
CGGGATGTTAAATTCGTCATTTGAGAATGCAGATCACCGAACTTACGTGGATTGAAGGATAAATGAAAA
ACCTTGGTTCACACAGCAAGAATATCGCCTCAGCAGAGAAGGGGAGAGCCTGTCCCGCAAGAACTTCTGGAC
CGGGTGCTGGCTGCACATGCTTATTGGTCGCAACATCAGGCAAAGCAACATGGTTCCAAGCATCTTCAAGCTG
GAGTCGTGAAGGCCATTGAGGGCTCCAGCAGTTAAGCTTGTCGTCGAAAAGAAATTTCCACATATAATGTAA
AAAGGAATAGTAGGTATATTTGACACTTTGCTGTAATCAATCAAGGCAAATTGTAAGCATGATTTTAATTTCTT
GTATTCTCTCACACTTCGATTCAATTGTTTAGATTTCCCATTTGGGAAGAATTGTCATTTGTAATATGATTCTTG
AATAATGAGATTCTAACAGAATTCTTTCTGTGTTTAGATATTCAGTGTATTCAGTTTTATTGTAGTTTATCAATA
TCATGAAACTCAACTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_173 AY247269|Medicago truncatula AKIN gamma mRNA, complete cds

TTCTGAAAAAGCGAAAAGGAAGGAAATTGTAGAGGATCATTTGAGAGAGAAAGGGAAAGAGAAAATTATGG
TAATGGCAGAAGAGAGTCCGAGAAGCCCAGAGGCGAAGGTGGGGATGCAAGTAGAAGATTATGGGATATT
CAAGAACCGCAGCTCAGTCCTACTGAAAAGCTTAATGCTTGCTTTGAAAGCATCCCTGTTTCTGCTTTTCCTCCT
GCCCCCTTTCACCAAGGAATTGAGATAAGATCGGACAGTAGTTTAGCTGAAGCGGTTCAAATTTTGGCTGAGC
ATAAGATTCTCAGTGCGCCTGTGGTGGATGTTGATGCACCTGATCATGCGAGTTGGATTGATAGATACATTGG
TATTGTTGAGTTTGCTGGAATTGCTGTTTGGATTCTTCATCAGTCGGAACCTCCATCTCCGAGAAGTACTAGTG
GTGGAAATGCTCTGGTTGCAGCAACAAGTGGGGTGATATCTCCTTTAGAACAGCGGGTACTAGGTCCGGAAT
CTGCTGCAGCCACCCCGGAAGCTTTTTGAATCCTTAACTTCCTCTGAATTGTACAAGAGCACACAGGTGCGA
GACATCTCAGGATCTTTTCGTTGGGCCCATTTCTAGCTTTGCAGACATCCAATTCCTTCTTGACTATGCTCTTA
CTTTTATCGAAGTACAAAATGAAGAGCATACCAGTTGTGGACTTAGGGGAGGGAAAGATTGAGAACATCATC
ACACAATCAGCTGTGATTACATGTTAGCAGAATGTGCAGGGCTTCAATGGTTTGAAAGTTGGGGAACAAAG
ACGGTGCTGAGCTCGGTCTTCCAATGATGTCACCAGCTTCTATTGTCAAGGTGTACGAGGAGAACCCGTTTT
ACAAGCATTCAAACCTATGAGGAAGAAGAGGGTTGGAGGTATACCTGTTATTGAAAAGGGTGGTAGGACAGT
AGGCAACATTAGTTTAAGAGATATTCATTTCTTGCTCACTGCACCAGAAATCTACCATGATTACAGATCGATAA
CAGCGAGGAACCTCCTAACTGCGGTTAGAGACTACTTAGAGAAGCACGAAGAGTCCTCTCCAATGCTAAGCA
ACATGATTACGTGCAAGAAGGACAAGACAATAAAGGATCTGATTTTGATGCTTGACTCCAAGAAGATCCATCG
TGTGTATGTCGTCGACAATGATGGCAATCTGGAAGGAGTTATCACCTCAGAGACATCATCTCGAGGTTAGTC
CACGAACCGCGGGGTTACTTCGGCGATTTCTTCGATGGTGCTCTGCCATTGCCTCAAAAATAGTCGGGTTTGAA
AATGAAATACTTGCCAGCAACAACAAGTCCTGATATTGTTGTCAAATTACTTAGGATTAACATTTTGGGTC
TCTTAATTTTAGTCTTGTGTTTCAAGGTGTGTTCACTATCCTTGGTCTTTGACGGTTTGTCCGATGGATTGAACGTG
CGGAGTGTAATATAGACAATGGAAAGATAACCTGTAAATAGTTCTTTTGATTTTGCACATTTTCTCTAAATTT
TTAGTTGGCTTTAT

>trans_s_174 NM_111567|Arabidopsis thaliana proline-rich family protein (AT3G06870) mRNA, complete cds

AAATCACAGACTGTCTTCTTCATCCTTCTTTGTCTCCTCTCTCCATTTCTATTCTCAACTTCATTTTTGTCTTCTATT
CCTCTCTCTTCACTTCCCACCCATGGTCCAAATACCTAACGCCGATGACGACGACATGGACGACGGTATGAAGT
GCAGTTACCATCCTTATCGGACCAACCAAGGAGGGATCTGCGCTTTATGTCTTCAAGAAAAGCTCGGCAAATT
AGTCTCTTCTTCCCCTCTTCTCTTCCACCTTCTCTTCTTCTTCTTCTCATCTTCTTCTTTCAGATCTGATTTTCGC
CACCGCCCGTCACTCTGCTCTTCTCTTCAATTTCCCCCTCAAATAGAAAGTCACTGCCATGATCACGCCGC
GCCCCGCCAGGACTCGAATCCCCTTCTGTCTGAAGAAGAAGAAAAAGCAGCCGGAGGTAGGTTTTCCGCCGGAG
TAAATCCACTACCACTCCGGCTAGAGGGAAATTTCTGGATCCTTATCACGCTGAAGATTATAGCCCTAAGAACA
GAGGATGGATTTGGTCACTGTTTGATCTTTCTACTAAATCCCATTCAACGAGAAAAATCGATCATGGGGGTTTG
CGAGAAAGTTTGAAGATCGCGTCTTTACCAACCGCCGCGACGTCTGGAGAAGCTGAAAGGAAAAATGCACGGA
AACATCTAAAGATTCTGCAACACCGGCAGGGCGGAGGACGACGACGGAGGTGGAGACGATAGTCCGAACA
GTAGTCAAGCTTCTGCTTCAGTCTCGTCGTTTGAACGGAAGGTTTCAAGATCCAGATCCGTCTGGGTGCGGCAG
CCGGAGTTTCTCCGGCGACTTCTTTGAAAGAATCACCGGTTTCCGGCGACTGTACGTTACGAAGAGTGGAATCA
CACAGAGAGGGGAAAAACCCAAAATAAACCCACCGCTGTGGCCACGGTGCCGGACGGCAACGATTCCCTTAAA
GAACGAGTGAAATGCGGCGGAATATTCGGAGGATTACGATTACGACATCGTCATCTTCGTCATCAGCGTCAT
CGTCATACTGGGTATCATCATCCTCGGGCGAAGAAGGGAGATTCCAGCAGGCAGCGACGTACGGTCAGGCCG
GGCGAAGCAAGAACAAGGGTGGGCATTTGCTAGTCCGATGAGAGCTTTCACGAAGCCATCGTCTTCATCAT
CAGAAGGGGAAAAGAGAATCATCGGAGAAAAATTCGACTCCAAATTTGGACGCCATTCCTTCATTGCTGGCCGT
AAGAATCTGAACACAAAATTGAAAAATGAAAATTAAGATGCAGTAATTTTAATTTTACATGTTAATCATGAAAT
TAATTATCTTCTTATCATTATTATTGTTTTTAAAAATCCGTGAGTTCATATTGTAAATCATGTTGTTGTTATTCTT
CAGAGAGTCAAAACTTTTCCCCAACCTTCATTGTTTGCTTTCTGTATTTTGAATTTTGGGAGGGTCCGTTTTAC
TTTCTTTCTTTTTTTCATGTACTAAAAATATCCACTAAATTAATAATTCTTTTTGGTCATCAATCAATAACATAG

>trans_s_175 XM_002867497|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydroxyproline-rich glycoprotein family protein, mRNA

ATCTCTCGTTTTCTTAAGCCAAAAACGACTTCTCCTTCTTTATTAAGAATACCACCTTTGATCGTATCAGATTTTCG
AGATTCTCAGCACCAAAAATTTCTCTCCTAACCACTTCGATATGGCCAGCGACACCGAGCCGGCGAAGCTCCTTC
TGCCCTACCTCCAGCGAGCCGACGAATTGCAGAAGCATGAACCTCTTGTGCGATACTACTGTCGATTATATGCT
ATGGAACGCGGACTAAAGATTCCACCGGGCGAACGTACCAAGACCACTAATGCCCTCCTTGTTTCCCTCATGA
ATCAGCTCGAAAAGGATAAGAAGTCACTAAACCTTGGGCCGGATGATAGTTTGCATCTAGAGGGTTTTGCATT
GAATGTCTTTGCAAAGGCAGACAAACAAGATCATGCTGGTCGAGCAGATTTGAACACTGCAAAAACATTTTAT
GCTGCCAGCATTTTCTTTGAGATTATTTCCAGTTTGGTCCACTTCAACCAGACCTTGAGCAAAAACGAAAATA
TGCAGTCTGGAAAGCAGCAGATATCAGGAAGGCTTGAAAGAGGGGAAGGAAGCCACAGCCTGGTCCACCTTC
TGGTGATGATGATCTGTCTGTTCTTCAAGTACACCTGCCAATGCCAATGATGCAAGACCAGGAGAGCCTCAA
GTCTCAAGAACTCAATCACAATCAGATTTGTGCGCTCAGGTTTATGACAAGGCTAATAACGATCACACAAATAT
GCCACAAAGTCCTCAGGTATATGACAACATGAACAATCACACATCTTTAAACACATCTCCACCTGCCCCGATTCC
ATAATGAAGTTGACAATCAGCACCTCCAAACATTCCATCATACCCTGCAGCTGGTTATCCATCCCATGAGTTC
CATATACCTCCTCCGAGGAATGAACAAGACAATTCTCGTACACTCAGCCATACCACCACATCCATTCTACTC
GCAAGAGCATCAACAACAGCCGTTGCCGCATAATTATCCATCTAATGAAACTTCCCCTAATTACTCTTATCCCCA
TTTCCAATCTTATCCAAGTTTCTCTGAAAGCAGCCTCCCGGCCGCCCCCTCTCACTATCCAACCTATTACCAAGG
ATCTGATGCTTCATACTCTTCTCAAGTGACTCCTCCTCCCGCCAGCTACCCATCAGCTTCCAGTATCATTCGAA
CGGCAGAGAGGAGATGGCCTCAGAACCTCAACCTACCCAAGCTCCAGCCAAATCATACCATTACGACAGCAAC
TACCAGCCAGCTCCTGAGAAAATTGCCGAGGCACACAAGGCCGCGAGGTTTGCTGTAGGGGCTCTGGCATT

GATGATGTTTCAGTTGCGGTAGAGCATTTGAAGAAATCACTGGAAGTGTGACTAATCCTTCAGCCAATGTGT
GATTTTCTGCTTTGTTGCTGGATTGGCTTATGTGAATTTCTTTATGCTTTCTATACCAGGTTTGATGTGTAAATTT
AAGTCGATTTGTGCCCCAGGAAATGATTGATCGGACATGTTATTGAGAAANTGTATGATCTTTGATCTTTACA

>trans_s_176 NM_120075|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing
protein (AT4G39150) mRNA, complete cds

AAACCATTCAATTCCACGAACCCAAGCAAAACAACCTATCAAATCATCTAAATCAACAACTTTTCTCCATATT
ATTGTCCGTTTAAGAAATTCGACGCGTTTCTGCCGATTTCACCGTCTCATTACCTCCGTTCCCAACCCACCT
TCTCAGATTCTTCTCCGTCGCTGTAATCCCAGTCTCGCCGATTCTTCACCCCTCCATTAAACCCATTTCTCTTT
TTCCTCATCGCTTCTCAATTTACGTTGCCGGATCTGATTCCATCATTAAATACCTTTTGAAAAGCTTGAGATTC
AACAGCTATGGTGAAGGAGACTGGTTATTATGATGTATTGGGTGTCAGCTTTGATGCCTCCTCTGCTGAAATT
AAAAAGCTTACTATGTTAAGGCAAGGTTAGTTCATCCAGATAAAAAATCAAGGAGATCCAAAAGCTGCGGAA
AATTTTCAGGTACTGGGAGAGGCTTATCAGGTATTGAGCGATCCTGAGAAGCGTGAGGCGTATGACAAGTAT
GGGAAGGCAGGAGTACAACAGGAAGCCATGGTGGACCCTGCAGCTGTGTTCCGGTATGCTTTTTGGAAGCGA
GTTCTTTGAAGAGTATGTTGGTCAGCTTGCTTTGGCTGTATTATCATCTTTGAAAATCGAGGACGGTACACCAG
ACTCAGAGTTACGCAGGCAAAAAATTCAGGAAAAGTTAAGGCTGTTCAAAGGAAAGGGAAGATAAACTTG
TAAACATTCTGAAAGAGCGCCTGCAACCATATGTCGATGGTCAGGTTGACGAGTTTGTACAATGGGCAAGTTT
AGAAGCACGACGACTCTCCTGTGCTGCTTTTGGTGAGACCATGCTGCACACCATTGGATACATATACACAAGG
AAAGCTGCAAAGGAACTCGGGAAGGACAGACGTTATATGAATGTACCGTTTTAGCGGAGTGGGTGCGGGA
TAAAGGACACCAGATAAAATCACAAGTGATGGCTGCTTCAGGTGCCGTTTCTTTGATTCAATTACAGGAAGAG
TTGAAGAGGCTGAATGAAGGAGATAACAGGGATGAGAACCTGGCAAAAGCCATTGAAGAGAAGAAAGACG
CTGTTCTTAAGTCTCTTTGGCAGATTAATGTAGTCGACATTGAATCTACTCTATCACGTGTCTGCCAAGTGGTTC
TTAGAGACCCCAATGTGTGCAAAGACGATTGAAGCTACGAGCCAGAGGATTAAGGAAGTTTGGAGCAATCT
TCCAAGGTGCAAAATCAGCTTATAGTAGAGAAAACAGCCTGAGGCGTGAAAGTGATAGATCAATTGGTGATG
CTTCAACTTCATGATCTCACACTCTGTTAGTCTCTCCTGCTCAAAGATGGTGATCTGATGATCTAATTCTATTTAT
TTAAATTATCTTAATGTTTTGTATGCTTTGTTGAGAATTCCTTCAATTTTTTTAACATTTTCTTTTCTACTTTGTA
ATTTATAGCTTACAATCTGTTCTTTTTTGTGTAATAAACAATATTAGAGAAGTCAATTTCAAACATAA

>trans_s_177 XM_002309431|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

CTGTTGATTCTGTAGCAGTTCTTTAGGCAGTCTTCCCTTGTTGGTTGCCGGGCAATCACTTCACTTGAACCTC
AATGTCCTAATCTTGAACAGGTTTCTCTAGACGGCTGTGATCATCTCGAAAGAGCATCATTTTCCCCGGTGGGT
CTGCGGTCTCTAAACCTGGGAATCTGTCCCAAATTGAACGAATTAACCTTGAGGCCCTCGTATGGATTTACT
TGAGCTAAAAGTTGTGGTGGATTGTCTGAGGCAGCCATCAATTGTCCTCGTCTAACATCATTGGATGCCTCCT
TTTGTGGCCAAGTGAAGACGAGTGTTGTCTGCCACGACTGCCTCATGTCCCAGATTGAGTCATTAATACTG
ATGTCATGTCCATCTGTTGGTTCGGAGGGACTTTACTCTCTGCGATGCCTTCTGAAGTTGGTTGTGCTTGATTT
ATCATACACCTTTTTGATGAACCTTGAACCAAGTTTTTGAGTCTTGTATACAACTTAAGGTATTGAAACTACAAGC
TTGTAAGTATTTAACTGACTCATCGCTGGAGCCTCTTATAAGGAAGGCGCTCTCCAGCTCTCAAGAGTTAG
ATTTATCTTACGGGACACTTTGTCAGTCTGCCATAGAAGAGCTTCTTGCTTGTTGCACGCACTTGACTCATGTG
AGCTTAAATGGGTGTGTGAACATGCACGATCTAAATTGGGGTTGTAGCATTGGACAGCTTTCATTGTCCGTCA
TCCCAATTCCTCTTGGTCAGGCCACTTTTGATGAGATCGAGGAACCAAGTTGCACAGCCAAACCGTTTGCTACAG
AACCTTAACTGTGTAGGTTGTCCGAATATCAGAAAGGTTCTCATTCTCCAGCTGCACGTTGTTTTATTATCA
TCATTAAACCTATCACTGTCGTCGAATCTCAAGGAAGTTGACGTTTCTTGTTACAACCTATGCTTTCTGAACCTG
AGTAATTGTTGCTCTTTGGAAGTTTTGAAACTTGACTGCCGAGGTTGACCAGCCTCTTTCTTCAGTCTTGCAAC
ATCGAGGAAGAAGTGGTTGTAGCTGCAGTATCGAAATGTAGCATGCTCGAGACGTTGGATGTCCGTTTTTGTG

>trans_s_178 NM_111245|Arabidopsis thaliana ATBPM4 (BTB-POZ and MATH domain 4); protein binding (ATBPM4) mRNA, complete cds

>trans_s_179 NM_120894|Arabidopsis thaliana MBP2C (MICROTUBULE BINDING PROTEIN 2C); protein binding (MBP2C) mRNA, complete cds

ATCCAATTTCTTTTCTTTTCTTTACTCATTGCTTTCTTTCCGGTTTGTGCTAATTACTCACACAACACCGA
GGAAGGAAGGGAGGAAGGGAGGAAGGGAGGAAGGGAGGAAGGGTTTGGCTTTTCTTTCCCGCCAAAATT
CATCAAGATTTCATCTTTTCAACCATGTTTGGTCCCCAACATTTCTGTCGATTTACAAGACGATTCTGCTTTCGGC
GACCAGAATTCATGGCTTTCCGGCGACCACGACTCCTCCCAGCTCGCCGCTCACTCACTCATCACTCGCCAA
CGCATCTATTTCAACTTCGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTAATGGGAATTCG
ATCGTGAACCTCTTAAACAATCTCGTCTCCATGGTTCTCTCGTTCAGTCTCTTATTGATCGAAAAGCCAGTAGTT
CATTCACGAAGAGGGGTTCAATGATTTACACTAAGACACCTTCTAGAGACTCATTACACAGGAAAAAAGGTAG
GAATAATGGTCAATCTATTCCAACCAAGAAGAAAAAAGATCATGGGGACAAGGAAGAGGGTCATAGTGTTGA
TAATAATGGAGATGCCAATGGCTTTTCAATGTTCTCTTCAAGTTCTTGGTCTCTGAAAAGGAAAAAGAAGAG
CTAATCACATTGAGAGAACAAGTGGAAGATCTTCAAAAGAACTACTTGAAAAGGACGAACTTTTAAAATCAG
CAGAGATGTCGAAGGACCAGATGAACAATGTTTACTCAAACTTGATGCTTTGAGTCTCCAATCTGCTGAGAA

GGATTCTATGATAAAATCTATTCATTCCCACTTTCAGATGCAAAGATTAAGCTTGCAGATAAGCAAGCTGCCT
TGGAGAAGATACAATGGGAGGTAACAACATCAAATACGAAAGTAGAAGAACTTCAAGAACAGCTCAAGTCCT
CGCAACGGGATGTTTCATCGTTTATGATGTTACTTGAAGGCTTGACAAAGAACGATTGCAGTGATCGTCTCAA
AACTATGATCTTTCATTGCATCTCCCTGAGAGCTGCCCTTCATTGATGATTTGGATGATGTGGAAATGAAGA
AAATGGAAGAAGCAAGACAAGCTTATGTAGCTGCTGTTGCTGCTGCAAAGGCAAAGCAAGATGAAGAATCTA
TTGCTGCTGCTGCAACTGCAAGATTACATCTTCAATCATTCGTTTTCAGAACATAAGTTTCAAACATTCATTTGA
AGCATCATTCGCACTCAGCGTTGACATCTCAGTTGCTTCATTTGGCATTCTCTCTGATGTTACTACAGCCTGAT
ACTATAGTGTTCTCTATAGGGTTGCCTGAGTTATTTATTGTAGTAATATATTCAAGAAATGCTAAAAGTGGAAC
GTTTGTTTCATTTTGTATGTATGATGTATGTAACTTCCCCATGTTCTGTCTCTAATGAGAACGCGCCACGGTTTG
GTTGTGCGCTAGAGAGACGTTTTGTTTCTACATTTTATGATACATCTCTCTCATTTTCTG

>trans_s_180 DQ822905|Glycine max MYB transcription factor MYB180 (MYB180) mRNA,
complete cds

AAAGGAAAAAACACGAAATTTGCTTCTTTGGACAACCAAAATCTAACCTAATTTCTAGTTTCTTTTTTCGAT
CGGATCATGCAACTTGGATCCTTTGATCTGGTTGAATTTGAGTTTCGATTTCTGAAAAGCGGCGGCCTTTTTCGA
TCGATCCGGCGGCGGAACGATGACGCGGCGGTGCTCACATTGCAGCCACAATGGTCACAACCTCTAGGACTTG
TCCGAATCGCGTTGTGAAGCTCTTTGGAGTCCGATTGACCGACGGTCCATCCGAAGAGTGCTAGTATGGG
GAATCTCAATCACTATGCAGGATCCGGGTGCGGTGCTCTACAAAGCGGGTCCAACAATCCGGCTTCTCCCCGA
GAGACTCCTGAGCATGGTGTTCGGCTGACGGATATGCGTCGGAGGATTCGTTCTGCTCCTCTTCTAGTT
GCCGTGAGAGAAAGAAAGGTGTTCCATGGACTGAGGAAGAGCATAGGATGTTTTTATTGGGATTACAGAAAC
TTGGAAAAGGAGACTGGCGTGGGATAGCACGTAATTATGTTGTATCTAGGACACCTACACAAGTGGAAGCC
ATGCTCAAAAGTATTTTATTAGGCAGACCAATGTATCAAGACGAAAGAGGCGCTCCAGTTTGTTTGATATTGTT
GCTGATGAACGTGTCGATAATTCCATTGTGCAGCAAGACTTCCTATCTGTCAACAGTTCACATGCTGAATCGCA
AAGCAATAACCCATTGCCTACACCACCTACTGTGGATGAAGAATGTGAATCGATGGATTCCACCAACTCAAAT
GATGGAGAAACAGCACCTGCGGAGCCAGATGGCCCCAGTGCTGTTATCCAGTGGTATATCCTGCGTATGTTG
CACCATTCTTTCATTTTCTATTCCGTTCTACTCGGGATATAGTGCAAGAGACCACCAATAAGGAGACACATGAG
GTTCTTAAGCCAACAGCCGTGCATTCAAAGAGTCTCTCAATGTTGATGAGCTGATTGGCATGTCAAAACTCA
GTCTGGGGGAATCTATTGGTCATGCTGGTCCCTCTTCTTTCACTGAACTACTTGAGGGGCTGTCTAGACGA
TCTGCTTTCATGCAAATCCAGCTTCTGGCAGTGAAAATATGAGTTCTGGTGGCAGTCCAATCCATGCTGTTTA
ATGGATAGTATATTTCTGAACCTCAGATTGTAGGTTATATTTACGAGTTATTGTCAATATACAACAAAATAATG
TGCAGTCTGGTTTGGGTTTATTGATATTTTCATGTTAGGTCAGTCTTTTTCTCCCCACCCTCCTGCCCTGCCTCG
CCCTGGTCTCTCCTGTGTTAACTAACTTGGTTGTAAGTTGTAGGCTTTAGCATCTTCCGTTAGAAATCGTCCATT
CCGACTCTTAAAGATTGTATGTGTTTATCTTCAGTTTCTGGACTTGAAGCTTATTTATATACTTTGTGACATT
CTAATTCATGCAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_181 NM_113310|Arabidopsis thaliana GATA transcription factor 1 (GATA-1)
(AT3G24050) mRNA, complete cds

AAGCCATCGTGTTGACGATAATAATAAACTCATAGTCACAACAACAAAACCTCTTCTCTCTAGAAAAAC
GGGTTTTCTCTCTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGGAAAACAAAAACACACAAAAATGGAGTCTT
CTTTGGCTTTTCATGGATGACCTTCTCGATTTCTTTCGGATATAGGCGAGGAAGATGAAGAAGACGACGCCGT
TCCACCCTTTCCGTTAAGAGCAAATCTTCTTCTACCACGGCGCCGGACTCGTCCGACTTGAACGCCGCTGCTA
TGCACCCTGATGATTCTTCTTCTGCGTGTTTTGCCTGAGGAGGATTATGCGGAGGAAGAACTCGAGTGGTT
ATCAAACGAAGATGCATTTCCGGCCGTCGAGACATTTGTGACATTTCTCTCCGACCATCACCAACCACGCGC
CGCAGCCTCCGCCGTTAACGAGCGTTTCGAAACAGAACAGTCCTGTTTCGGTTCTAGAAAGCACTTCAATCAG

TAGCCATGGTGAAACCATCAACGGTGGTAATAAAACGAGTGTTTCATGGTAGTAGCATTCTGATGAGTTGTTGT
GGCGGTCTGAAAGTTCCCGGCAAAGCCCGAAGCAAGCGCCGCGTGGACGGCATATTTCTGGTCACCATCTCT
GGTTCAAGCAGCAACCCAGTTCGAAGAATCTAAACAAGTGGTACCAACCACCGAGACAGCGGCGGCGGTCCG
CGGCGACTACGGGGGCGGCGGGGATTGGGAGAAAATGCTTACATTGTGGAGCAGAGAAAACGCCGCAATG
GCGAGCCGGTCCATTTGGGCCGAAAACGTTGTGTAACGCTTGTGGAGTGAGATTCAAATCAGGGAGGTTAGT
GCCGGAGTACCGGCCGGCGAGTAGTCCGACGTTCTCGGCGGATCTGCACTCGAATTCTACCGGAAAGTGAT
GGAAATGAGAAGACAAAAGCAGTTGGGTATGGTGGTGAATCCAATGGATAAAGGGTGAGTTTGAATTATGG
GGGTATTTTTTGGTTGAGTTTGATGAGCCATTGATTCCTTCTTTTTCATCCGCCATTAATCTTCTGCTTCTTCTT
CTTCTTTTTAGTTTAGTTTTTAGGTATTTGTTTGTTATGTGGGATAGAGATTTAAAATTAGTGGAAATTTTCTGT
TTGATGCCAAAAATTCAGTAGGAGAATTTGTCAATTTAGTGGGTTTGATTGTATTACACTTCTTTTTATTTTTT
TGGCCTCTCAAGTTATGCATATATATAGAAAATTAGGGTTTTTGTTCATAATTTTCAGAGACTCTAAATAGGGTT
TGTGGGGTTTTTTTTCTTAATCCTTACAGTATTTGCTTTTCTTTCTTGTATGTAAAAATTTGAACTTTTCTGGGTC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGACGCCTCCTCCCTCCACAAGATTATTAACACCACCGACCACC
ACGAGGGGCCCCGCCACCCCCCTCTTCTATAATGAGGCGTATTATTACCGCTCACCGCTCGC

>trans_s_182 NM_001060661 | Oryza sativa Japonica Group Os04g0658000 (Os04g0658000)
mRNA, complete cds

AGATTCCGAGATTTGCACTGACTTGATGATGACTGTTCTGTTATCGAGTTTCTTCTAATCAAAATGCCAACAAC
AATATAAACCCAACAATTTTTCCACCTCCAAGGCTATGGATTAAGACCAACAACGCTCTGATTTCCGATCTGAA
TCAACAACAACATCAATCCACCGACGCCCAACAAATTCCAACGACAAAACCAATCAAAAGGCCTTCTAAATGA
GCGGCGAAAAGGTTGCGGTATCTCCGGACCTTCTTCTGGTTCTGTAGATGTTGTTAAGGGCATCAATGGTCT
CGATAAAGTCGTTCTTCGCGACCCACGTGGTAGTTCTGCTGAGGTCTATTTATATGGCGCCCATGTGACATCTT
GGAAGAATGACCATGGGGAAGAGATGCTTTTTGTTAGTAGCAAGGCTATCTTCAAGCCTCCAAAACCAATTCG
TGGAGGGATTCCAATATGTTTTCTCAATTTCAAATCTTGGTCCACTTGAGGCACATGGATTTGCTAGAAACA
AATTTTGGAGCATTGACAATAATCCACCTCCTCTTCAAACGAATACCTCCAGCAAGACTTTTGTTGATCTAATCC
TAAAGCCCTCTGAAGAGGATACAAGGGTTTGGCCACATAGTTATGAGTACCGTTTGAGGGTAGCTGTAGGAC
CTGCTGGAGAGCTATCGTTGACATCACGTGTTAGGAATACCAATGCAGATGGAAAGCCTTTCTCATTACATTT
GCTTATCACACTTACTTCTCAGTATCGGATATAAGTGAAGTTCGGGTGGAAGGTTTGGAGACCTTGACTATC
TTGACAACTTGCAGAGTAGAGCACGTTTTACTGAACAGGGGGATGCTTTAACTTTTGAATCAGAAGTGGACAA
GATATATCTTAGCACTCCATCTAAAATAGCAATTCTGGATCATGAGAAGAAGAGGACTTTTGTTGGTTGAAAA
GAAGGACTTCAGATGCCGTGGTATGGAATCCTTGGGATAAGAGAGCAAAGGCAATAAGTGATTTTGGAGAT
GAAGAGTACAAGTATATGCTGTGTGTGGAGGCTGCAGCTATTGAAAAGCCTATCACACTGAAACCGGGCGAG
GAATGGAGAGGAAGACTGGAACCTTCTGCTGTTCTTCAAGTTACTGTAGTGGGCAACTTGATCCTCAGAAAG
TCCTCCATGGCATCTGAAAAATTCATCATTCTGTTTTACTTCACATGTATCAGGTAAATTGTTTTAAATAACTAG
TGGATCTTGGCAAGACAATTTGCCCTCTTATTCTTATTTATTTTCCATATTTTGGATTGGGAAATAGGTTTTG
GACAAGAGAGTAACTGAACAACAGTATGTGGCTTTTTTTGGATGGCTATGGCTTCATAAGTTGAAAGAAAAC
TAGCATTGTGTCTGAACACAAATCAGTATATTTTCTTATAGATGGTTACTGAGAACTGTCATAAATTCGGTTTTAT
CTGGGGAACACTTTATTCTGATTGTTAGTCTATTGCGGGATAAGTTCTGGGTCACTAGTT

>trans_s_183 NM_001061164 | Oryza sativa Japonica Group Os05g0145000 (Os05g0145000)
mRNA, complete cds

TCCCCAACAAAATTCGCTCCTCTTTTTCTCTCCATGATCTTACAAGAACCATCTCCCGTTCTTGTGATTGTTTCC
GATTCATTGCCATCAAGTTCGATCAGGTTTCTGCACCGTCTTATGGCGGTTCTGTGACTCTCCATCCACCTTGTT
TTGCGAATTCTCCATCCATGGCTGCTCGAGGGGTCGATTTCAAGTGGTATGACGGGTTTTTCTGTGATGCT

CGCGACTAGTGTAGTAATAGTTTCAATCAATTGGAAGAAGTATCATACTTGTGTACATCCCTTGCATATATGGA
TTGTGGTTGATTATACTACCGTCTTTGTTTTTCGCCTGCTGATGTTTGTGGATAATGGACTTGCCGCTGGCATG
GGTTTGGACTTTGGGTGGCAGCAGAGGTATGCTCGATTTTGTGGAAGAATTGTGGTCCTTTCAGTTCTTGCAC
TTCTGCTATATCCGTTTCTTTGGGCTTGGACTGCCATTGGTACTTTATGGTTTAGAGAAGCCCATAAATGTCTTC
CTGAGCAAGGCCAGAAATGGGGGTTCTAATTTGGTTACTTTTTAGCTACTGTGCACTCGTATGCATTGCTTGC
ATGTCATTGGGAAAGTGGTTAACTCGTAGACAAGCACTCTTGTTCGGGCGCAACAAGGGTTTCCTGTATCAG
AATATGGGGTCTTGGTTGACATGATCCGAGTACCTGATTGGGCTTTTGAAGCTGCTGGACAAGAAACAAGGG
TAATGGGCCAAGATGCCGCTGCATACCATCCTGGACTTTACTTGACTCCTGCTCAGAGGGAAGCTGTGGAAGC
ACTTATTGAGGAACTTCCCGAATTTAGGTTAAAGGCCGTTCCAACGGATTGCAGTGAATGCCCTATCTGCTTAG
AAGAGTTTCACGTAGGGAACGAGGTTTCGTGGCCTCCCTGTGCTCATAATTTCCATGTAGGATGCATTGATGA
GTGGCTTCGACTTAACGTGAAATGCCCTAGATGTCGTTGCTCGGTCTTCCAAACCTTGATCTCAGTGCTCTGT
CCAATCTTCGTTCTGATACTGATAGACCATCTGCAAGTGTTGTTACCGCCAACCGTTATGTGGGATCTCAACCT
TCCAGCCAGAGTTATCTAGTGAGATTGCAAGGTCTGCTTCGACCTGTTTCGCACCGAAAACAATGATGCACACG
GTGATTTAGGGCCTGCTAGTGCTTTAGAAGCCGCTGAGAATGGGTCTGCACATGACCAAACCATACCAGAAC
GGCCTCCTGTAAGACCGTTGTCTTTGATTCACTCCACATCACAAGTCTAGGTAGCTGGGGATGTTTTCTCCCC
TTTATACTTTGATTGCTTCTAACGGCTACTGTAAAGCTAAACGATTAGTGTCCACGTCGCTCCATCTACAAATC
CCGATAACTGTGTAATAGTAAAGCCCAAACGTTTGTTTTTTGGTATCCAAAGAGTTTCTTACTTTCTAGAAAA
TTTCATATTTCTCTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_184 AB243086|Codonopsis lanceolata mRNA for sulfite oxidase, complete cds

CTCACGAAATCTGTGGCCATCCAACCTTCGAGAACATCTGTGTTCTGCTCCCAAAGATTGAGAAAAATGCCTGG
ATTGATTGCACCCTCAGATTATTCACAAGAACCACTTCGTATCCATGTCTCCGAATCAACGCCAAGGAGCCCT
TCAATGCGGAGCCACCGCGCTCAACTCTGATTTTATCTTATGTCACCCCTGTAGATTTCTTTATAAGAGAAATC
ATGGACCTATTCCATTAGTGAATGATATTGAAAGATATTTTGTCTATAAATGGCCTAATAGACAAACCAAAA
GAGCTGTTTCATGAAAGATATCAGGATGCTTCCAAAGTACAATGTCACTGCCACTTTACAGTGTGCAGGGAATA
GAAGGACAGCAATGAGCAAAACCAAAACAGTGAAGGGAGTTGGCTGGGATGTTTCTGCTCTAGGAAATGCT
GTTTGGGGTGGTGCTAAATTGGCTGATGTTCTTGAACCTGTTGGAATACCTAAGTGCAGCTATAGGACACAAA
AAGGTGGAACATGTTGAGTTTGTGAGCATTGATAGATGCAAGGAAGAAAAGGGAGGTCCATATAAGGGA
TCAATTCCACTTAGCCAAGCTTCAGATCCTGAAGCAGATGTTCTGCTTGCTTACGAAATGAATGGAGAACCTCT
TAACAGGGATCATGGGTATCCGTTACGTGTGGTTGTCCCGGTGTTATTGGTGCTCGCTCCGTTAAATGGATC
GATTCTATTAACATAATTGCAGAGGAATGTCAGGGTTTCTTTATGCAAAAAGACTACAAAATGTTTCCGCCTTC
CGTAAATTGGGATAATATTGATTGGTCTACCAGGAGGCCTCAAATGGATTTTCCTGTTCAAGTGTGTCATATGTT
CTTTGGAGGATGTAGATCATATAAAGCCTGGAAAGGTTAGTTTCGTTTCTGTAATTTCAATGTATAGTCGAATAT
ATAAAATATAGATGATGATGATCTATGCGAAGTATTTCTATTTTCAAGATCTAAGAGCCTCCAATCTTCTGCATTT
CTCTGTCCAGGTTAAGTCGTAATTTGGGACATGTAAATCAGAAATTCCTGCAGAATATTGCTCTACTTGATAT
TTATAATCTCGCTCTCATCTCTTTTGCATTATTTAGTAAAAATAATTTTCTCTTACTCTCTTGAAGTTAATTTATA
TCCCTGTGTAGCTACTTTAAAGTTTAAACAAGCAATGTGATGGTGATCTTCAAATGTATGTCAGGTTACAGTT
AGTGGTTATGCAGTGTGAGGAGGTGGTAGGGGAATAGAGAGAGTAGACATATCTGTTGATGGAGGTAAAAA
CTGGATTGAAGCCTCCAGATCTCAGAAGGTTGGTGTCCCATACGTCGCTGATAGTCCGAGCAGTGACAAGTG
GGCATGGGTGTTTTTCGAGGTCACACTCAATGTCCAACAGAACTGAAATCGTTGCTAAAGCTGTTGATTTA
GCAGCAAATGTGCAACCAGGAACAGTGGAGGAGATATGGAATTTAAGAGGTATACTCAA

>trans_s_185 NM_001060820|Oryza sativa Japonica Group Os04g0680300 (Os04g0680300)
mRNA, complete cds

AGGGAGCGTTGAAGATTTGAAGGAGGCTGTGTATTATATGATGATACCGCAACAATGGGCGTCTCCTTGTGG
CAACCAATGCACGCAGAAATACGCGGCCCTCACCCAGATTCCTTGCGGGTATTTTGCAAAAAGGGGTGTGA
TGCAGATGGGGAAGCCTGGGACGAATGCTTGGAAGAATGCACTGAGATATGCTATAAGGATCCTGTATTTAA
GAACCAACAGTGGAGTGCTTACATTGACCGATCTCCTGGGTCTGCCAGTTACTCAGAGGAATGTTTCCATGCA
TGTGTATCTGGTTGCGGCTTTAAGTTTGAGGTTGAACCAGAGAAAAGCTGACAAAATCCAACCAAAACAGACCTG
CAAAACCAGCACCTGTTGTTTCGAAACCCTCCCCACGACCTCCAATCACTGAATCAATTGCCAAAAATGAAGAC
TTGCCAAGCACTTCTGCATAGCAACACACAATGCCAATAAACAAGGAAACCTGACGCATCAAATTGTAGTCAG
TCTGGCTTACGTCTCCCGTTGCTATGTTTCCCCCGCGGGCTTCATATTCTGTTGGATTATAAATTATGACAGT
CACTTGTAAGTTTAGTCCTTCCTTGCCTGTAAAAGGACTTAGGTCTCTGACATAGATATTTTCTATATGCTGA
GAGTTGCTAATTGCCTGCCTTGTGTAGCTTCATTGCTCTGGCTTCAAAAGTTGGAGAATTTGTGAAACGTT
AATTTAGTATGGGGAATTGGGGAATTAGGCACCTTGTGTTTCGAAAAGAAGTAAATTTAGCTGTAGCTTG
TCTTCTTTTGTGTTCTTACAATGAGCTCGTAAAAGTAAATTAGCAGGATTCAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTAATCAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGGGCCCGG
AACCCAATTCCCCAAAAGGGAGTCAAATAACCCGCCCCACGGGCGTCTTTTAAACGCCGGGACGGGAA
AAACCCGGGGTTTACCAAATTAATCCCTTTGAAAAAACCCCCCTTCCCAAGTGGGGGAAAAACAAG
GCCCCACCAATCCCCCTTCAAAAATTTGCCACCTAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCGGCCAAT
AAACCGGGGGGGGGGGGGGGTAACCCGAAGGGGGACCGCTACATTTGCCAGCCCCAAGCCCCGCTCTT
TTCCTTTTTTCTTTCTTTCTCGCCACGTTGCGCGTTTTCCCGTAAAGCTCAAATCGGGGGCCCCCTTTAG
GGTTCCAATTTAGTGCTTAACGGCCCCCAACCCAAAAAATTTGATAAGGGGAATGGTTCACGAAGGGGGC
CATCCCCCTAAAAACGGTTTTTCCCCCTTAAACGTTGAAGCCACGTTCTTAAAAAGGGAACCTCTGT

>trans_s_186 NM_127706|Arabidopsis thaliana antiporter/ drug transporter (AT2G21340) mRNA,
complete cds

TCAAACCTCGCTCCTTTTCAATTCTCCGGCGCCAAAAATGCCTTTCAAATCCTCCATTCTTCTTCTTCTTCTCAC
TCGTTCTCGATTCCATTGCCCCAGTATTCTCAAACCATCTCTCCCTCTTCTTACCCTTCACTCATCCATCTCTC
TCCTCCCCACCATTACCTTTCCTTCTTCCATTCTCCTCCCTTTACCTCCCCATTTCTCGTCGCGGAATCGCCG
CCGATTCCCGATTCTTCGCGTTGAGATTGAGAGAGAAATTGGCATTGAAGTACAAAGAGTTGAACAAGTATTG
GAGATTGAAGGAGAAGAATTGGGGAACCAAGGGTTGTTGAATCAGATGAAGGAGATTGTAACGTTTACTGG
GCCTGCTATTGGATTGTGGATTGTGGACCGTTGATGAGTCTCATTGACACTGCGGTTATTGGCCAGGGAAGC
GCTGTTGAGCTTGCTGCTTTAGGCCCTGCGACAGTTTTATGTGATTATACGAGCTATGTGTTTATGTTTCTCAGT
ATCGCAACTTCAAACATGGTAGCCACGGCCCTTGCCGAACAGGATAAAAACGAAGTTCAGCATCATATATCTG
TATTGCTGTTTGTGGATTAGTGGCTGGCTTCTTGATGCTCTAAGTACCAAATATTGGGCTCGGTGGCCCTA
ACTGCTTTTGTGGAGACAAAGAATGCAGACATCATACCTGCAGCAAATACCTACATTGAGATTGAGGTTTGG
CATGGCCCCGAATTCTTACTGGCTGGGTGCTCAAAGTGCAAGTCTTGGCATGAAAGATTCTGGGGACCTTT
GAAGGCTTTGGCAGTTGCGAGTATTGTAAATGGTATAGGTGATGTGGTCCTATGCATGTTTTTAGGATATGGG
ATTGCTGGTGCTGCGTGGGCAACTATGGCATCACAGGTTATTGCAGCTTATATGATGATAGAAACACTGAATA
AGAAAGGATACAACGGATATTCTCTATCAGTTCCTCGTCTGGTGAATTTTTGTCAATACTTGGCCTTGCTGCT
CCTGTATTTCTAACAATGATGTCAAAGTGGTTTTTTATTCTCTCCTCATTTATTACGCTACATCAATGGGCACG
CACACCATGGCTGCTCATCAGGTTATGATTCAAACATTTTGATGTGTACCGTTTGGGGTGAACCGCTTTCTCA
AACTGCTCAATCATTTATGCCTGGGTTGATAAATGGAGTGAATCGTAGTTTGGATAAGGCTTGGATGTTGCTA
AAGTCACTATTGATCATAGGAGCCATATTTGTTTTGGTATTAGGGACTATTGGAACATCAGTTCCTTGGTTGTT
CCCCAATCTTTTACACCGGAAGAGAAGATTATTCAGGAGATGCATAAAGTGTTGATTCCATATTTCTTGGCTC
TAGTCATAACCCCCCGACTCATAGCTTAGAAGGGACATTATTGGCTGGACGAGACCTAAAATATATTAGTTT
GTCAATGACTGGCTGCCTTCTCTTGGTGCCCTCGTATTATTGATTATT

>trans_s_187 AF296080|*Dianthus caryophyllus* deoxyhypusine synthase mRNA, complete cds

ACGCCCATCATTTTCATCTTTTATCTTACTCTTCATGCCAGCCGTCTCTACCCGGCTCAGACCGTCGGCGGTCGC
GCCGTCTCTTTGTGCTCGTGCCCCGCCGCCGTCTTCCTAGCAGATTGCACTAACTTTCCACTTCATTGTTGCT
GGAAGTGACACGTTAAGTCAGATGGATGACAATGATGTTTTAGCATCTGTGCGTGCTGCAGTTTTTAAGGAAT
CAGAGAATCTTGAGGGTAAAAGCATCAAAATTGAGGGATATGACTTCAATCAAGGATTAACTACTCCAGCCT
TATAAGGTCCATGATCTCTACTGGATTTCAAGCCTCCAATTTGGGAGATGCCATAGAAGTCGTCATCAAATGT
TAGATTGGAGGCTTGCTGATGAGAATGTGACTGAAGATTGTTCTGAGGAGGAGAAGGATCCTATCTTTAGGG
AGTCGACAAGGTGCAAGGTGTTTCTTGTTTTCACTTCCAATCTTATTTCTTCTGGTGTTAGAGACACAATTCGTT
ATCTTGTTGAACACCATATGGTTGATGTGATTGTCACTACAACCGGTGGTATTGAAGAAGATCTTATAAAATGT
CTTGCTCCCACGTATAAAGGTGACTTTTCTTCCCGGAGCATTCTTCGATCAAAAGGGCTGAATCGCATTGG
TAATTTATTAGTTCCTAATGATAACTACTGCAATTTGAGGATTGGGTAATCCCAATTTTGATCAGATGTTGA
AGGAACAACGTGAAGAGAATGTACTATGGACTCCGTCCAAGGTAATCCGACGCTTGGGAAGAGAAATAAATG
ACAAGAGTTCGTATCTTTATTGGGCCTACAAGAACAATATTCCAGTCTTCTGTCCAGGATTAACAGATGGCTCA
TTGGGAGATATGTTGTACTTCCACTCTTTTCGTAACCCTGGATTGATTATTGACATCATTCAAGACATTAGGGC
CATGAATGGTGAAGCTGTTCAAGCAAGTCCAAGAAAGACTGGGATGATAATTCTAGGTGGGGGACTCCCTAA
ACATCATATTTGCAATGCCAATATGATGCGTAACGGTGCAGACTATGCTCTCTTCATCAACACTGCTCAAGAGT
TTGATGGAAGTGAAGTCAAGGAGCCCGCCCCGATGAGGCTGTCTCTGGGGCAAAATTCGGGGTTCGGCTAAAA
CTGTCAAGGTGCATTGCGATGCAACAATCGCTTTCCCGTTGCTGTAGCAGAAACATTTGCCTCAAGAAGAGA
AAAGGAGAAGAAGGTCAATGTTGGAGTCTCAGGGAGCTGATTTCGTATTAATAATATGAATATTGATTAGTTG
ATCCTTACAATTGAACTCAAGCTTTAAACACAATAACTTATTGAAAATCTGGGGAGATTCTAGCCTAGAACTA
CCCCTTATATGGAGATGTTGTTTCTATGAAATGGAGTATTGTTTAACTACAAATTTGTAGAATAAAATTTAATTA
TATATTAGAAATCCATTTTCATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_188 AL161513|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 25

GGCTTCGCCATTAGCTATAGAGCTGACGTACTCAAAGATCCGGCGAAGAACCCACAATTTTCCGACATTCCCC
GTTCTTCTGAACTCCAATTTATCCTCTCCAAAGAACATATCCCGTCAAATTCTTCCAGAAAATGCAATCCAA
AGACTCTAAATCCCCAGAATTACCTGTCCCTTCGCTAATTTCCACGCTCCGAACAATTTCCCGCCACCGACTCA
TCGTCCCACCCCGTCGCCCAATATTCCGGTCAACAACCGACCTAGTCAATCCATAATCCTCTCTCCGGTCCCTCA
GCCTCAAAGAGTCTCTGTGCTCTCTCCCCCTTACCATTTCGAAGCTCCTTCTAAAAGAATCCATTCTCCCGATGA
TATACGCCAATTCCACGATTCCGAATCCGGAAGAAATTTCTTGTTTTCATAGTTGCTCTTCCGAATCAACTCG
AGGTCGGAATAATTTCTGATCCTTGCTACCAATCTGACACCGTTAATTCATTGTCTCTATTCTTGATACTCTGAT
TCAATGGATCGACGATATTCCACCGCGCGTATGGCGTCTCGATATGGAAACCTTTCTTATCGGATATGGCAT
GCGCAGATGGTGGAAAACAGCGATTCTCTTATGCTTCGATTTCTCCCCGAGGATCTTCATTACGCCACCGTGGA
AATTGTGCCCTATTTCACTGATAGCTTCGGGAATTCGAGCCGAATCGACTATGGTACTGGGCACGAGACAAAT
TTCGCAGCCTGGTTGTATTGCTTGGCTAAATTGGGGACAATCAAAGAGGAGGATTACCCTGCTGGTGTAGTTA
GGGGTTTCGTGAAGTACCTTGATTTAATGAGGAAAATGCAATTGGTTTATTGTTTGGAGCCTGCGGGTTCCCA
TGGTGTTTGGGGCCTTGATGATTACCATTCTTGTCGTACATTTTGGATCATCACAGTTGATAGATCATAAGT
ATCTGAAACCTAAATCCATTCATAGTCAGGATATACTAGACAATTTCTCCAACGAGTATCTTTATTTCTCGTGTA
TTTCTTTTATAAAGAAGGTGAAGAAGGGTCCATTTTCAGAGCATTGCCATTGCTTGATGATATTAGTGGGGT
GCCTAATTGGAACAAGGTCAATAGTGGGTTGCTGAAGATGTATAAGGTGGAAGTATTAGAGAAAGTACCCAT
TATGCAGCATTTTCTTTGGATGGCTCATCAATGGTGTGTATAACAGTTTTTTGTTTCATTTTGTGTACTAAT
TAGTTAAATGGCTATGTCTGTTGCAAGTTTGTGCTCTCCATATGCTCCGTAGTATATAGAAATTTTGTTTAGGA
GGTTTTCATAATGTAGGTTTATAATAATGAGATCTATTCTTTAGATCTTAACGAGCTTAATGCTCTTGCTTGTC

AGTTATGCATCTTTCTCTTCAGAAAGAATAAAAGTTTATGTTTATAAATAGTAATACTTCGCTGGTCTGAGCATTG
AGGCTCACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_189 NM_001064671|Oryza sativa Japonica Group Os06g0634300 (Os06g0634300)
mRNA, complete cds

ATATACCAATCGTCTGAAATCCGATTAGTTGGTTTTGTTTGATTTTTCTTCATGTTGGGAGTAAGGAGGATTAA
ATTATATACTTATCTTTCCCTATTTAAAGCATTTCATCTTCTTACCCTCCTCTGCACTTCATTCTTCGTGAATC
GAGCTTTCTTGAACCTCTTCGTCTTCCCTTTTCAGCTTCAGAACCTTAAGGCCACTGCTTCATATGTAGGAA
ACAAAAGTCCAACACTCAGCCGAGGCATGTCTTCTTCATCTGCAACTCTAGAGAAAGTGACTCCTCCGGCTAAT
ATTCAACAGCTTGAACATTGAGTGGAGTTTATGATCGTTATGATGGAGTCATTGTAGAAATGAAGGACCCTA
TGGACCCAAATGAATTTGGTTCTTTGCTTAGAGCTTCATTATCTCAATGGAACAACAGGGTAAGAGAGGTAT
TTGGATCAAATTGCCTATTGAACTTGCAAACTTATTGAAGTTGTTGTTAAGGAAGGATTTGATTTCCACCATG
CCGAACCTAATTATCTAATGCTCGTGCATGGATCTCTGAACTACGAATAACCTTCCGGCTAATGCCTCTCAT
CGCGTGGGCATCGGTGCATTTGTAATGAATAGTAATCGAGAGGTGCTTGTGGTTCAAGAGATTAGTGGAACA
TTCAAAGGTACAGGAGTTTGAAGTTACCAACTGGAGTGGTTAATGAGGGAGAGGATATTTGTGAAGCAGCA
ATTAGAGAAGTAAAGAAGAGACTGGCGTTGATGCAGAATTTGTAGAAGTGTTAGCATTACAGGCAAAGCCAC
AGTGCATTTTTTACAAAATCAGATTTGTTTTTCGTATGCATGTTACGACCACGTTCTTTGACATTCAAAGCAA
GCTTCAGAAATTGAGGCCGCCAAGTGGATGCCATTGATGAATATGCAGATCAACCCTTTGTTAAAGCAAATT
CGGGTTTCGACTACGTGGCAAAGTATGTTTAGCAAAGGCCAACAACAGCTATACGGGGCTCTCAGCTATGC
CTACGTATTCTGCGTCTGGTAAATGACGTTCTCTACTCAAACTTGAAATCTGAACTCATACTTCAGCAGCA
ACATCGATGATGACTCCCTCTAACCTCTGCATTCCAAGAAGCTCAAAGAATCTGTAAAGTCTTTATGTACAGA
TCATTTGTGCATTAAATCTCCATCCCGTTTGGTTTGTGGTTCGAGAAAATTGGGTAATAGTTAGTCAGTCACAT
GATTTGTTCAATTAATGTATTTATATATTGTTTTTAAAATGTTAGTACTAAGGTGGAGTTAATAAGAGTGCTTC
GAGTTGCAATAAACTTCGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAACGACACGATGTTTCTTTCTAAAATTCAACACC
ATATAATTATGTTGTACTCAAATAATAACAAACATAATATTTATCAATGATTTTATATCAATGTACTCTATAAC
ATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_190 XM_002884846|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TACTACCAATATATCCCTTACCTATCAACTCCAAGGATAAAACACCACGGAAATCACCATCTAATAAATTAAAT
GGTGGGCACGAGATCCGGGCCAAACCGAGCATAGCTTCAACCTGCTGGAAAATATTGATCTGGTGGGGGG
GAGTGGTGACATACATAATAGCAACTCGTCAACTGATGAAAATATGTCATTACGGCTATTTCAGAAGACATA
CTTGAGACAAAGATGGTGGATCCTACATCCTTCCCTGATGAAATATCCACATCATATGCTGTTGATAGCCGGAC
TGATGGGCTAACGAGCTCTTTGTCTCCGACATTGACTTCCAATGGTGATAAAGAGAATGGAGGAATTGCTCTC
CAGTGTACAGAACCACCTGCCATCAAGATCTCCCAGAAAATAGTCCAAATTATTTGCAGAGAGAACCTGATG
CGGAAAATTTTCAACAGTTACGAGAGGTGCACATTAATACTGTGGACCTGCACGAACCGAAAATAAGTTGCA
GCAAACAGACTTCTAATGTAACCTGGAATGAAGCCCGAGGAACTAGTGAAAGGAATGTGGAATTATTGATGT
CCTCTGTAGGCAGTGCTGAAAAGTTTGGGCCATCTGATGATAAATCCTTACTGAACTCTGCTGATCAATTGAAT
GTTGAACTGAGAAGCTGTATCAATCAGGAGAGCTTCAAAGAGCATCCAGAAGCTGGTTGTAGCAGTTGTTTA
ACATCTGCGGAAGAACTACCGGAATGGAACCTCGTGTCTGATGAGAAAGAAAGTGACAGACAGATTGCTTG
CCGTTGGAGAAAGGTTACACACAGATTGTATGTTGTCGGAGATTACAAGCAATATTCTTCCACGTAAAGATG
AAATTCATGTTAACTCAGATGGTACTAGTTGTTGACACAGATGATCACAATGGAAATGTTTCATCAGCACA
CAGGGCAGGAAGTGATGTATCAGAACTAAGTACACAAACAGCATCAGGTGGTGATGATACGAAAAGTACAG
AATCAGAATATCCAAGCCAGCGAAGAGCCGATGCTCTCGAATCCCTACTTGAGCTATGTGCACGGTTACTTAA
GCAAGACAACTCGAAGAGCTTGCTGGTGTGCTGAGTCCATTTGGAGAAGAAGCTGTATCTTCAAGAGAGAC

AGCGATCTGGTTGACAAAAAGCCTCATGTCATCACAGAAATCTAACGACGGATCTTCTTAGTATCCTAACATGT
CCACAAAGAAAGAAAAAGCAGAGAAGTTCCCAATTATTTATGCATCTTTTGTACAATAAACTTAATTGCATTAT
ATATATATTTTTTCAATGTATAATGTGTTTCATTGTGTGTGCGTTTGATTAAACAATTTGAAGGATGCGAGCGTTT
CATGTTTGTGGAAATTTGACTTTAACATTGCTTTAAATGGAAGAAAACTTGACTTTTGCATTGTATAGAAA
ACTTATATTTGCACATCATGTATTTAGTGGAAGTTTGAATATACCATATCGACAAAGCTTCAAAG

>trans_s_191 NM_112487|Arabidopsis thaliana acyl-activating enzyme 13 (AAE13) (AT3G16170)
mRNA, complete cds

AGATAGAGTTTTTCAGGGGACAGTAGAGAACTTGAGTGATGATCCTGCACTGATAATTTATACTAGTGGTACA
ACTGGTAAACCGAAAGGAGTTGTTCACTCATAAAAGCATCACTTCACAGGTTCAAACGTTGTCAAATGCTT
GGGAATATACATCAGCTGACCAATTTCTGCATTGTCTCCCCTGCATCATGTTTCATGGGATGTTCAATGGCTTG
CTAGTCTCTATCTATGCAGGTTCCACGGTTGAGTTTATGCCAAAATTTAGTGTCAGTGGTATCTGGAAAAGGT
GGCGGGAATCTTATCCATCCAAGAGTTCTAAATCTGATGATGCTATAACAGTTTTTACCGGGGTTCCAACCATG
TATGCTCGATTGTTACAAGGTTATGAAGCAATGGATTCAGAGCTACAGCTTGCTTCTGCCTCTGCTGCAAGACA
GTTGCGCCTTATGATGTGTGGCTTTTCTGCACTTCCTCCTCTATCATGAAACAATGGAGGGAAGTAACTGGCC
ATGAACTTTTGAACGATATGGTATGACCGAATTTTTCATGGCAATTTCAAATCCTTTAAATGGTCAGAGAAAAG
ATTGAACTGTTGGCAAACCTTCCCTGGCGTGGAGGCCAAGATTGTTGCAGATGATGGGAGTACCACTGGTT
CAAGCTTGGAGGGTGAGCTGTGTATTAGGAGCCCTTCAATGTTTAAAGAATATTGGAAGCTTCCCAAGGTAAC
CAAAGAATCTTTTATTGATGGTGGTTTCTTCAAGACTGGAGATGCTGCCAGACTTGATGAAGATGGTTACTAC
ATCATACTAGGACGTTTGAGTGCCGATATCATGAAAAGTGGGGGGATATAAGTTATCAGCATTAGAGATTGA
ATCAGTGATTTTGCAGCATCCGTCTGTACAGAATGTTGTGTGTTGGGATTACCAGACAAAGACTATGGAGAA
CGTGTCTGTGCAATTGTTGTGCTTCAGGCTAACACAAAAACGACAATACCTGATGGGTCCAATCCTAGTATGA
GCTTAGATGAACTCCGAACATGGGCTAAAGACAAGCTTGCGCCTTACAAGTTACCGACAATGTTATTGTTGAA
GGACTCGCTGCCTCGAAACGCAATGGGAAAGGTCAACAAGAAAGAGTTGAAGAAAAAGCTCATAGCCGAAG
AGTAAACCTAATAGACAATTTGGACCTATTGGCGATGAAAAGCAAGGCATAGATATTTGTTCTTACTAGTAGT
ATTAGTGTTGATTATTTGATTACTTTGGTAATCTCTGCTATTAAGTAATTAATTAGGTTCCATAATGTATACCATT
CCTAGTCAACTAAGAAACAAACAATGGTTCTCTAATGAACTAGTTGATTTTTGGAAGGAGATGCAAAAGTAA
TAGAATAATCATTTTATATTTAATTATTCTCGCTTGATCCTATTACTTTGCCTATATATACTGGCTTATTCTCATT
AATAAAAGTTGAGGGGGAATTTTGTACAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_192 AB005023|Citrus unshiu mRNA for sucrose-phosphate synthase, complete cds

AATCAGGCTCACCAGGTGATTCATGGAGAGATTTACAAGACATTTCTCTAAACCTGAAGTTTTTCATTAGACGG
AGAGAAGAGTGGTGAACTGATAGATCTCTTGAGTCTGATGACAGAACAAGTAAATTAGAGAATGCTGTATT
GAGTTGGTCAAAGGGTGTTCAAAGGATTCACGAAAATCAGTTGCCGAAAAAGCTGATCAAAATTCTAATGTT
GGCAAGTTTCCAGCATTGAGGAGGAGAAAACATCTCTTTGTAATTGCTGTGGATAGTGATAGTATTACAGGTC
TCGTGGATACCACAAGAAAGTTGTTGAGGCAGTGGAGAAGGAAAGGAGTGAAGGCACTATAGGGTTTTATTC
TCTCTACATCATTGACCATATCTGAAGTAAATTCATTTCTGGTCTCAGGCGGCTACCGTGCTAATGATTTTGATG
CATTCATCTGTAATAGTGGCAGTGATCTTTACTATTTCATCCACAAATTTAGAAGATGATCCTTTTGTGGTTGACT
TCTATTACCGTTCACACATTGAATATCGATGGGGTGGAGAAGGATTAAGGAAAACCTAGTTAAATGGGCTGC
TTCAGTTTCTGATAAGAACAGTAATACTGAGGACAAAATTGTATCTGCAGCTGAACAGCTTCAACAAATTATT
GTTACACTTTTAATGTTTCGAAACCTGAAGTGATTCAGCAGTTAAGGAACTCAGGAAATCGCTGAGAATCCA
AGCTCTGCGTTGTCATGTTGTTTATTGTCAGAACGGAACCAGATTAAATGTAATTCCAGTATTGGCATCTCGTT
CCCAGGCCCTCAGGTATCTTTATGTTTCGATGGGGCACTGAGCTTTCAAAAATGGTTGTGTTTGTGCGAGAAAG
TGGGGACACAGATTATGAAGGATTACTTGGTGGATTACACAAAGTGTTGTTTTGAAGGGCGTTTGTAAACGG

CGCTGTAAACCAACTCCATGCCAACAGAACTACCCTCTTCCGACGTCGTTCCCGTTGATTCTGCAAATATTGC
ACAAGCTTCTGAAGAGGCTACAAGTTCCGATATTCGAGCTTCCTTGGAGACCATTGGACTTCTCAAATGATAG
AAATTTTGCAACTAAGCTTCTCGGTACGTTTTCTTTTTTAATTGCTTGGTGCCATTTTGGCGAATGGTCATT
ATAAAAATTAAGAAAGAAAGAAAAAAGGAAAAAGAGGAAAATGGTGAAATAAACTTGGCCACC
TTTTCTTTTTTTGGTGATAAAAAAAGGAAGTTGAATCTCAGTTGTGTGCAGTCTCTGTTTTGAGTATTTTTGT
CATTTTAAGTCTTCTAGATCTGTGGCCAAGACCTCAGAGAAATATTCTCAACTGATACTGTAAAAAATGAATG
AAATTCTCTCTTTAATGGGGTAAGTTTATGGTACGTACATTTTATTTTGTAGATTCAATTTGTCATTGTCGTTTATT
TTTAATGAATAATGTTACCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_193 AY070136|Arabidopsis thaliana AT3g04930/T9J14_12 mRNA, complete cds

AACCCCATACCAAAACAAAACCAACCCCCCATCTCTCTCCTCCCTCTCTCTCTTTCTTTTTCCCTTCTCCCTT
CTTCTCTCTCCTCCATGGATCCTCGCCACGACGCCGCTTCCCCGACGAAGACCTCCAACACGACCAGGAATCT
CTCGACGACGACCACCACGACGAGGAACAGGAACAATTGAACGACCAACCTTCTCCTTCGACTTCCTCCGCGG
GCGCCCTTCTGTCCCTTCCGTCTCCGCTACCGTCACCCTCGCCACTCCCCGGCTGTCTCCGTTGTTCTCTCTCC
TTCGATCGTTTCCCTCCCCTCACCCATCTGATTCCCAGCGCCTCGAAACTGCTACCGCGGAGCCTTTGACCTT
ACAGGGAGAGAAGAAGCCTTTGGATGACTCCAGGAAGTTGTTTCAACGTCTTTGGACCGATGAGGATGAGAT
CGAGCTGTTGCAAGGGTTTTAGATTATACGATGCAGCGTGGTACGACTCATCATCAGAATGATACCGCG
TTGTCTTATGACCAGATCAAGTCTAAATTACAGTTGGATTTTAAACAAGAATCAGCTTGTGGAGAAGCTTCGGA
GGTTGAAGAAGAAATATCGTAACGTTATTGGTAAGATTAGCTCTGGTAAGGACTTTAATTTTAAAGCCCTCA
CGATCAAGCTACGTTTGAGATCTCTCGCAAGATCTGGAGTAATACTGGCCGAATTGGTGTGACGACAACGCT
TTGGATGACGATGAGCCTGCTCCCACTCCTTATGCTAGCTACATGGATCATAGAAACGAAGAAATGATGGCGA
ATTGTGCAGAGAAGAAACCGACGCCTACTCCGAAATCCCGGAAGCGTTCAAGGCCTGGATCGGGAATTAGAA
TGGAAGCGCCTCGTTCTTCCCATGAGAAATTTGAATAAAGAGAAGAATAGTATCTACCACCACCACCACAACAA
CAGCAACGCCAACAAACGCAACAAACGAAAATGTCAATAACGTAGCGGTAGCTGGCTTGATCGAGGA
GACGGTGAAGAGCTGCTTGTGCCATTGTTTAAAGGAATTGTTGAACACTTCCATGGGAGGTGGGCTCTGTGG
AGGCAGAGGGTTTAGTGATTAGCTTTGCATCCAATTCCATTGAACTTCAGTGGAGCTTCCATGAATTTCACT
GGTGGATTAGAAATGGCGGATGAGAGGTGGAGGAAGCAGCAGATTTTGAACTGGAGGTTTATTCAAAGAG
GTTGGAGTTGGTTCAGGAACAAATTAAGACGGCATTAGAAGATTTGAGGAAAGTTTGAACTTTGAAGAATT
GGGTATTATTTGTAAGTGCTTTGGCTTTCTTTTTCTTTCTCTTTTCTCTTTTCTCTTTTCTCTTTTCTCTTTT
GTTGATAGTGTACTTAGTGGCATCCTTTGGTTAATTTGGTAGAATAATTGTAAAAATGAATTTATAATAAAACC
ACTCATTTACAATCTGTTGATACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_194 XM_002875870|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata XH/XS domain-containing protein,
mRNA

AGAATTTGAGTTAAGAGGAAGAGAATTGGAGAAGCGTGAAGCACAAAATGAAAATGAGAGCAAGTATCTGG
CTGAAGAAATCGAAAAGTATGAAGTGAGAAATAGTTCTCTCCAATTGGCTGAGCTAGAGCAGCAGAAGGCTG
ACGAAGATTTTATGAAGCTGGCAGATGATCAAAAGAAACAAAAGGAGGACCTACATAATAGAATAATCAGAC
TGGAAAAACAACCTGGATGCCAAGCAAGCACTAGAGTTGGAAATTGAGCGTCTACGTGGGACGTTGAATGTTA
TGAAACACATGGAAGATGTTGAGGATGTCCAGAAGGCAGAGTCAATACTTAAAGAATTGAGTGAAAAGGAA
AGAGACCTTGAAGAGCTTGATGACCTTAACCAAGCACTGATAGTAAAGCAGCGCAAGAGTAATGACGAACTC
CAAGAAGCTCGTAAAGAGATAATTAATGCTTTTAAAGATTTGCCTGGCCGCTCGCACTTGCCTGTTAAGAGAA
TGGGCGAATTAGATACAAAACCGTTCCATGAAGCAATGAAGAAAATATATAATGAGGATGAAGCAGATGAGA
GAGCTTCAGAGCTGTGCTCATTGTGGGCAGAATATCTCAAGGACCCAGACTGGCATCCTTTCAGAGTAATTA
GGTAGAAGCAAAAGATGCTCCAGACGGAAAAGAAAAGGAAATTGAAATTTTGGATGATGAAGATGAGAAAC

TGAAAGGTCTGAAAAAGGATTATGGCGAGGAAGTTTGCAAGGCTGTGATTCAGCTTTAATGGAGATAAATG
AATACAATCCCAGTGGACGATACATCACATCAGAGCTATGGAACACCAAGAGGGCAGGAAAGCAACGTTGC
GAGAGGGAGTAAGATTTTTACTCGACAAGCTGAATAGAAACAAGTAGAAAAGGGGAACACACCCTGAAGCA
GCCATGACGATCAAAACAACATCATTGCCATGAAATAAACGCAATGCGTTCTGTTGGGTGAGAATTCTCGTA
TGGAGTTTCGTCTTTCTTTACAGAAAATCCAAAAACGGGCCAAGGAGATGAAGTTCACCTCTTTGCAATTATAA
GATGTCTAAGCAGGAGATGGAATATGAGCCAAATAAGTCATGTCAGTGTATGTTTTCAAGTCATACTCTCCTG
TGTATCAATTATTTCCAGATCGTAGAGATTTCCATAATGCAGAACTGCTTATCTATTATCAGTTACTGATCTTAC
TATTTAATTTGTTTCGGAACCTTTAAACTACTTCGTCTTCGACCGTTGTAACTACATGTAATGTCCAGTCT
AGAGACTGAGTGATTGCTGCTATCTTATTCATGATTCAATAATGTAAGTGCTTCTGAGCAATTTTATGAATAGC
TTGGATAGCCATTTGTTGTTGAACTCAGCTTGATTATGAGGACGACTTTGATCTTCTTCGAACTTATGCAAATTA
AGTTATGTCCGAATAAAGAAAGACTCCATGATAATGGTTGGTGCATTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_195 XM_002862269|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UBX domain-containing protein,
mRNA

AAGCGTCGTAAGACAGCGCGAGTTTTCTTCATCCAACGTGCAGTCGCTGTGCCCAGGACTGTGCATCGGTTTG
CCGATTGCCAATCAGCCCGTCATTTGCAAATTTCTCAGTCCACTATTACTGAATTTTGTTTCAGATGGAGCAGTC
TATATCATCGCTGGCATTCAAGGGTCCATAGCTGAAGCAATTGTGCAATCCAAAAATCAAAGGAACTATTTT
TGGTTTATATTTCTGGTGATGATGCTAAATCAAGTAGATTGGAAAGTTCAACATGGACAAGTTCAAAGGTGGC
TGAATCAGTGTCAAAGTACTGTGTTTTATTGCATATTCCTGCTGGAAGTATGGATGCTGCACAGTTTTCGTCAA
TATACCCACAGAAATCTGTACCATGTATTACAGCTGTTGGATACAATGGTATACAACCTTTGGCTAAATGAGGG
CTTCATTAGTGCTGAGGTTTTGGCTTCCAATTTAGAGAAGGCATGGCTGGGTCTTCATATCCAGGAAGACATC
AAAGCAGACATTAAGGAGTCAAATGTACATCATTCTCTGAGTGTTGAGATTCAGAATAATGATGAATTATCCC
TTGAGCCCTCTGAGAAAGACAAAAGTTCATTGGCACATCCTCGAGACCAGGAAAGCTGTTCCCTAAAAATGC
CTCAAAAATTGTTAATGACTCTTATATCACTCCAAAGCTTATTGAATCCAGTCAATCAAGAGCTCCACAACCAAT
GTCTTTAGAAGCCAAGGAAGAGGTCCGAGAAAATAAAGAAATTGTTGATGACAACGCTATAGAAAATGATAG
TGCCCGCAAGGACTACACGTCAAATGATGTTCAATTAACATTCGCTTGCTGAATGGTATTAACCTACAGGAAA
AGTTTCCAGGACAAGTACCTTGAGGATGATCAAGGACTACGTGGATAACGGCCAACCAAGTACCTTTGGATC
TTATGATTTAGCCATCCCATATCCTCGCAAGGTTTTACAGATCAAGATTTGGGTAAATCATTATCAGACCTGG
GCCTACATAACAGACAAGCATTGATAACGGTTCGACATCGAGGAGTTAGTACTAATTTAAGAGGAGGATCATC
CTCTGATGAAAGAAAATTTTCAGCCGATGGCGTTTCTTCAGATGAAAATAGTGATGGATATTTTGCATTCGTTA
AAAGGATTTTATCTTATGTGAATCCATTCTCTTATCTTGGGGTAGGGGCGAGTGCAGCAAGTTCCAGACATGA
AACTCAGGGAGACGCACGACAATATAGTAATAGCGCTTTGGAAGCAGAGAACTACTATGTCCGCCAACCAAA
CCAAGGAACTGCAATGGCGGGTGAAAACAATACTCGAGGCAAGCAACCATCTTCTTCATCTAGATTTGGAGCA
AATATTCATGGCATTACATATAAAACATGACGATGATGATGAACGATTACAGAAAGTAGGAATTCCTTTTGA
ATGGTATTCTACAGAGTATGGTGGTGACAATGATAGCAAACGACAATGATGAA

>trans_s_196 NM_001066185|Oryza sativa Japonica Group Os07g0484500 (Os07g0484500)
mRNA, complete cds

ATCATCTTTCAAATTCAACTTGTCTCCATTTCTCAGCAACCTCCGCGTTCTCTCACTTGCAGTCTCTTACTCCTCG
CCCACAATTGATTCTCGAATTTCTCCTATTTCAATCGACTTGAACTTTTACAAATAGGGTAGTGTACACTAGGG
AGATAGATGGACTCGAAGGAAGCTGGTTCATTGCTTGATAATCTAATTGTGGCTTTCAATGGTCGGATCGCAG
AGCTCCAGGATCTTGTAATTGCACGAAACATGTATCCTGCAAGTTGTCTCCCTGATTTGTCGGCAGTTGATGCA
TCTTTAAAGGTGATGGAATTACAGGTGCAGGCGATCAAGAACCAGTTACGAGAAGAAGCTGAAGCAATTCGG
AAAGCAAAAAAACTTATTGAAGCATCTCTGAAGCAGCAGAAGAGATTAGAAAGTATTTCCCTTCATGTTCCC

ACTTATTATCAGATTCTGCCCGAGAGAGTTTCTGCGTTGAACTTAAATACCAGTCTTGGTTCAGAGGCCAAAAC
ATCTGGTTCTGAATTGGGCTCCCGAGAGGCTGAGAATGTGATTTCACTTACCTAAGGAGAAGAAAGTTTCC
TCTCCCCACTTTGGTACATAACCATCGATGAACTGAATTCATATCCTCATATATGAGAGGAAGGTTAACAGT
TGACAAGGTCAATGCTGCTGTTAATGACATGGCAACATATGCTGAAGCAAATGCCCACTTATTGGCATCCCC
AAAAAAAAAGCTGGCAGAGAACCTTTGGGAAAAGGCCCTGGAGCTAAGAGATATTGCAGCAACCGATGCAGT
GAAAGGAAAATATTTCTTTCTTGAAACCGACATGAGAGGACCTTCATTGAACTTGACAATACTGGAAAGGCC
ATTCTAACTGTCCTACGTCACGTTGGACGCATAAGCGAGACTCGGATTGGACATCAACGAGTAATCTTATTATT
AAAACCATCATAAATAACCTAGGATTTACTTGGACCCAAGATTACAAGTCTTGCATCAATGAATTCTAGCCTGT
ATGAAGAGAATCCACTGCACAATTCCTGCAATCCATTTCTCAAGGATTACTCAGCAGATGAGTACAACCGATT
GTTTTGGAGAAGATTAGACAATCATATAACCCATAAACTGCATTCATCTTAGATAAAATTGGTAGAGTGCTGA
GTTATTTGGCCGGTCTTTGATTATCATCAAAGAAATTCCTAATCAAAACGAGAGGCTGTTATCTCTATAGTTCA
ATCATTTCTTGAATCGGTTGCAAGGAGCTCATTCTGCTTAGATTTTCAACTTGACTTCTTTCAATTAGGCCAA
CGCTTTTACCTACATTCTTATGCCGTTAAGATTGGAGTTCTAAGATACTGTAGTTTTGAAAGCAAATTCTAAAG
AATAGGTAGTTTTGGCAAAGAGCCATAACAAACAGAGGCTGCTATGAAGATGTTTTTCGTTCAATAAATAGTT
GACAAAAGTTTGAATCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_197 DQ213015|Nicotiana tabacum sucrose-phosphate synthase isoform B (SPSB) mRNA,
complete cds

GGACCAGTTGACATTCATCGAGCTCTAAACAATGGGCTGCTTGTTGACCCTCATGATCAGCAAGCAATTGCTG
ATGCTCTGCTGACATTGCTATCAGAGAAAACTTGGAATGACTGTAGGAAAAATGGTTTGAAGAACATACA
CCTGTTTTCTGGCCAGCCCATTTGTCGCACGTACTTGACTCGAGTGGCAGCCTGCCGCATGAGGCACCCACAG
TGGCAAACCGACACCCCAGGGGACGAAATATCCACCGAGGAATCCTTCAATGATTCACTGAAGGACGTCCAA
GATATGTCGCTCAGACTTTTCGGTTGATGGAGAAAAACATCACTGAATGCGTCGGTCGCTGATGACCCTGATT
TGCAGGACCAAGTCAAACGAGTTTTGAGCAAGATAAAGAGGTCAGGGAATGAGTCAACAGAGACTGAAAAA
GGGAATAAAATGCTGGAGAATGCACCTGGAAAGTATCCGATTTTGAAGACGACGACGAGATTGATCGTTATA
GCACTTGATTGCTACGACAGTAATGGGGCCCCAGAAAAGAAGATGATCAAGATGTTGCAGGAGATCATTAAA
GCCGGTCGTCTTGACACTCAAGTTGCACGAGTTTCAGGCTTTGCTCTATCAACAGCAATGCCATTGGCAGAGA
CTTCAGAATTCTGAAATCTGGAAAAATACAAGTACTGAGTTCGATGCCTTAATTTGCAGTAGCGGAAGTGA
GGTTTACTACCCGGGTTCTTACACCGAAGAAGATGGAAAACTGTATCCAGATCCAGATTACGCTTCACATATTG
ATTATCGTTGGGGATGTGACGGTTTGAAGAAAACGATTCTGAAGTTTTGAGTGCACCTGAAGAAGATTCTGAC
AAATTTCTAGTCCGGCTCAGGAGGATGGAAAATCGAGTAACGCTCATTGCATCTCCTACTTAGTAAAGAATC
CCAGTAAGGCTATGAAAGTCGATGATCTGAGACAGAAGCTTCGGATGCGCGGACTTCGGTGCCATCCAATGT
ATTGCGGAAGCTCAACTCGAATGCAAATTGTTCTTTACTCGCATCAAGAGCTCAAGCACTCAGGTACCTTTTC
GTGCGATGGAGATTAACCTTTTCAATATGTATGTATTCTTGGTGAGGTTGGGGACACGGACTACGAAGAG
ATGATATCGGGGACTCACAAGACGATAATCATGAAAGGAGTGTCGAACAAGGGGTCGGAAGAGCTGTTGAG
GACATCAGGAAGCTATGCGAGAGACGACATCGTTCCAGGTGAGAGCCCATTGGTGACATTTGTGAATGGGGA
TGCAATGCTGAAGAGATTGCAAGTGTATAAAGAAAGTTTCATTATCTGCATCCAAAATCTGAACCTTTATAAA
GTCCAACCAATGAAACCCAGATTCATGCTTAATTCAAGTTTCTATTATTTATTAATTTCTTTGTATAGTGTTA
ATGGCTCTCTTCATCTATAAACTAACTTCCTATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_198 NM_102857|Arabidopsis thaliana IMPL1 (MYO-INOSITOL MONOPHOSPHATASE LIKE
1); 3'(2'),5'-bisphosphate nucleotidase/ inositol or phosphatidylinositol phosphatase> (IMPL1)
mRNA, complete cds

TGGCAATTAGTATCAGATGGTTAAGAGCTACATAACCATTTCCAAATCCTTTGCTCCAAAAGCCCTGAGCTGGA
TTCTTCCACTTTCATCACTTGAAGAAAAAATGGCCATCTCCATTGCCTTCTCGACGAACACCCACTTCCTATTTT
CTACAATTTGCAGATCAATTTCTCCCTCAGTCCGTCTCCCAATGTTCTTTTCAACGCCAGGAGAGATTGCAATC
GTGGGTTTCTCTCAATTGGACCATTGGACACCAAATTGCCGAAAACCAAAGCTGCATTGTCTGAAATTTCTTAC
CGCAAGCAGTACCCAAAAGTGGGTGCCAAGTCTATTGGACCCATTCCCCATCCACCTAATTCAAGTCGTTGA
GAATGCTGCCAATACTGGAGCCGAGGTGGTGATGGATGCAGTTAATAAGCCTCGGAATGTTGAATATAAAGG
ATTGACAGACTTAGTAACCGAAACAGATAAAATGAGTGAGGCTGCTATTCTGAAAGTCGTTAGAAAGAATTTT
AAAGATCACCTCATCTTGGAGAAGAAGGAGGAGTTATAGGAGATTCATCATCTGATTATCTTTGGTGCAATTG
ATCCTTTAGATGGAACAACAAATTTGCACACGGCTATCCTTCCTTTGCAGTATCTGTTGGAGTTCTGTATCGG
GGAAATCCTGCTGCTGCAGCTGTGGTAGAGTTTGTGGAGGTCCCATGTGCTGGAACACTCGCATATTTACCG
CAACGGCTGGTGGGGGAGCATTCTGTAATGGCCAAAAGATTAATGTGGAACGGTCTCTTCTAGTTACAGGATT
TGGATATGAACATGACGATCCATGGACTACAAATATGGATTTATTTAAAGAATTCACAGATGTTAGCAGGGGA
GTGAGAAGGCTAGGTGCAGCAGCAGTCGACATGAGCCATGTAGCTCTAGGAATTGTAGAAGCATATTGGGA
GTATCGCTGAAGCCATGGGATATGGCTGCCGGTGTTTTGATAGTTGAAGAAGCGGGTGGAGCAGTGACTCG
CATGGATGGTGGAAAGTTCAGTGTCTTTGATAGATCTGTTTTGGTTTCTAATGGTGTGTACATGACAAGCTTT
TGGAGAAAATTGGTCTGCAACAGAAAAACTAAAAGGCAAAGGAATTGAGTTCTCATTGTGGTACAAGCCAG
AAAATACCAGACAGATTTTGGAGTTATGCCTCTCTCAATTTCACTTCTCAAGTCTCCAAGCAATTATTGCTGTG
AGAGTTTGACTGAGTTGTTGGGATAAATACATACATCAATATCTTTAAATAATTTGTTTCATTTAGAAAAGTTAA
AAAAAATTTACATTTCAAGGAAACACATGATTGAGAGTGAAGACTCATGTTTAGTGGAATAATAGTCGATTC
TCAATTCTCATATCTTAGTTCATTGCACTTGACATATATATCTTCGTTACCAAGGCCTTGCTTCTTCTGAAGCCAA
AAACGTTTCATTCTGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_199 NM_001056993|Oryza sativa Japonica Group Os03g0440900 (Os03g0440900)
mRNA, complete cds

TGTTCTCAAAGTTCACCGGTTCCGGGAAGACAAGAAAGCTTTTTTGTAGTTATGTTAACGGTGGTGGGTCCCT
ACCGCTCCACACCACCACCATTCACGCGGCGGAGCTGTTTCTCACCGACCCACCAATCAAAACCCAACACTCA
CATTGCACTTCTTCTCTCTTCTCTCTGTTTTGTAATCTGTTCTGCTCTTAAAAAGTTTCTTTTTTCTTTTTT
TTCTTTTTCTTTCTTCTCTTCTGATTTCTCCATTTTCTTCTTTCTTTCTTTGACTTGACTGATCGATCTC
TTTGAGTCAGATTCCTCTTCAATTCCCACTGTCTAGTCTTTTTCTTTCTTTTCTTTTCTGTTTTACTTCTATTTCTC
TTCTGGGGTTTTCTTCTATCTCTCTGTTTTTGCTTCTCTCTCTTTATGGCTTATTTCCCTTTTTCTTCTTTT
TCTCCTTCTCGGTCTCTCTCTTTCGCTGTAATTTCCACTAATTCTGAAGGAAATGCTTGCATGCTTTGAGGAG
AAGACTGTCTGATCCCAACCAATGTGCTGCAGAGTTGGGACCCTACGCTGGTTAATCCTTGCACCTGGTTTCATG
TTACCTGTGATTCTGATAACCATGTGATCCGCTTGGATTGGGAAATTCAAACATTTCTGGGACTTTGGGGCCT
GAAATTGGCGACCTCCAGTACCTCAATATCTGGAATAACAGGAATGGGTTAAGTGGGAAAAATCCTACAG
AGCTTGGTAATTTAAAAAACCTTGTAAAGCATGGATTGTATGAGAACAAGTTTGAAGGAAAAATCCGAAATC
TTTTGCCAAGCTCGAGTCACTCAGATTTCTACGGATGAACAACAACAAGTTAACAGGATCGATCCCAAGGGAG
CTTACATCACTCTCTAACTCAAATTTTGTATGTCTCAAACAATGATCTCTGTGGAACAATTCCAGTTGATGGA
CCCTTTGCTACTTTCTCAATGGAAAGCTACATAAACAACAGGCTGAGTGGCCCGGAGTTGCAAGGACTTGAC
CATACGACTTTGGATGCTGAACTGAGCTCTAGCTCATTGATCCTAAGATTCAAATAGCATGGCTTGGACAAT
GGACGGTATCAGGTTTACGTTGAAATTATTGTTCTGTGGTAATTTCACTGCATGTATTGAAAAATATAGGAAG
CAAAATAAAAAATGTATAAGTTTCAATTCTCAATGACAATAACGAGAATCAGTTCTATTATATAGTCGTCCAAC
TTTGCTATTTCTTTTTCCATTTGTTGGGAGGAGAGAATATGCTCAATATTAGTAATAGTTCACTCTTCAAGCT
TAAAAGTTAACATACCCATGCAGAAATGGGAAGTCTGGCAGTTAGCCAATAAATTCATATTTCAGTTTTCAAT
ACTTTCTTCTTTATAAATTATATATAATTTAAAAATTGTACGATGAGACTTGATTCCAGTCTGCCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_200 XM_002881884|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

ACTGGAATCGTCTTCTTCGTTTGTTCTCTCCCTCCCATCTTACTTTCTCCGACGACCGACTGGCACTCCGGCGT
GCCACTAACGCGAACTGCAGGCGTTCTTCGTTTCCGACAACTTCGGCTCTTTGTTCACTTCCAGTCCGACGCTC
AATTGGTTTTGGATCCATCTTCGCCGTATCTCTATGCTTCTTAGTTGTGGTCTTGTCAAATATTTAGCATAAGTC
AATATGCAAGTCCCTTCAGAAGGAGAAAAATGCTTTGGCTACGGTTGGTCCTCGGCCAATGGAATGGTCAACTG
TTCCATATAATCCACCTCAAGGTCCTGGGCCGAATGGGAAACAGCGAACCTCAAGTCTGGAATCACCGATCAT
GTTGTTATCAGGCCATCAGAGTGCCATATATACATTAAAGTTCAATCCAGATGGAAACGTGATTGCCTCTGGG
TCTCACGACAAGGAAATTTTCTATGGAATGTACATGGGGATTGCAAGAATTTTATGGTTTTGAGAGGGCATA
AGAATGCAGTTCTAGATCTTCATTGGACTGTTGATGGATCTCAGATAGTTAGTGCCAGTCTGATAAAACATTG
AGAGCATGGGATGTGAGACTGGAAAACAAATTAAGAAGATGGCAGAACATTCCTCATTTGTCAATTCATGTT
GTCCACAAGAAGAGGGCTGCCACTAATTGTCAGTGGATCGGATGATGGAACCTGCAAACTTTGGGATATGC
GTCAAAGGGGCGCTATTCAAACATTCCAGATAAATATCAGATTACAGCAGTAAGTTTCTCAGATGCATCAGA
CAAGATCTTCACAGGTGGAATTGACAACGATGTTAAGGTTTGGGATTTGCGCAAAAGTGAAGTTATGATGAC
ACTTCAAGGTCATCAAGATATGATACTGGTATGCAGTTGAGTCCTGATGGTCTTATCTCCTCACTAACGGAA
TGGATTGCAAGCTCTGCATATGGGACATGCGCCGTATGCACCTCAAACCGATGTGTGAAGATATTTGAAGG
GCACCAACACAACCTTTGAAAAGAACCTACTGAAATGTAGCTGGTCTGCTGATGGTAGTAAGGTCACTGCAGGC
AGTTCAGATCGGATGGTTTACATATGGGATACAACGTCTCGACGAATATTGTACAAGCTTCTGGCCATACTG
GATCTGTCAACGAGCGTGTCTTCCATCCCAGTGAGCCTATTGTTGCATCTTGCAAGTAGTGATAAACAGATAT
CTTGGGGAGATTTAATCTACATTTGAAATCCTCAATCTGTACTGTAAGTGCTCTTGTCAATTACTTAATTGCTTC
TATTTTCTAATGTAAGTGACCCACAACAAAAATGATTTTGGACGTAGGATTCAAGGTGACATTTTCTGGGTA
ATGTAGCAAACGTCTTCATGATATAAAAACTTGCAATTTGAACCTTTGTCCCTATGATTTTGTGGGATTAATTA
TAGGCTTTTTTGCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_201 NM_100804|Arabidopsis thaliana CRB (CHLOROPLAST RNA BINDING); binding /
catalytic/ coenzyme binding (CRB) mRNA, complete cds

GGCTTCTAAATGGGAATCATGGCAAACCCAATGGCTGCTCACCACCAAAAATTTACTTCATTCTCTGTTCTTCCT
TCTTCTCTTTCCGATTTCAATGGCGCCAGACTCCACGCCCAAGTTCAGTATAAAAGAAAGGTTATGCAGCCAAA
AGGAGGATTACATGTTACGGCAAGTGCCAAAAAGAACATTCTTATAATGGGTGGCACTAGATTTATTGGTATA
TTCTTATCTAGACTTCTAGTCAAAGAGGGTTCATCAGGTGACTTTGTTTACAAGAGGAAAAGCACCTGTTACACA
ACAATTGCCGGGCGAGTCGGAAGCAGATTATGCCGATTTTAAACCAAGATTCTGCATTTGAAGGGAGACAG
AAAAGACTTTGATTTTGTGAAATCCAGTCTCTCGGCCGAGGGTTTGATGCTGTTTACGACATTAATGGGCGA
GAAGCAGTTGAAGTTGAACCAATTTAGATGCTTTGCCTAAGCTAGAGCAGTTTATTTACTGCTCTTCAGCTGG
TGTATACCTCAAGTCTGATCTCCTACCTCATTTTGAAGTAGATGCAGTTGATCCAAAGAGTAGACATAAGGGA
AAGCTTGAGACAGAGAGCTTACTGGCGTCGAAAGATGTTAATTGGACTTCTATAAGACCAGTCTACATCTATG
GACCATTGAACTACAATCCTGTGGAAGAATGGTTCTTCCACCGGTTGAAAGCCGGTCGCCCCATTCCAATTCCC
AACTCAGGCATTCAAATTAATCACTTGGTCAAGTCAAGGATTTGGCAACTGCTTTTGTTCAGGTTCTTGGTAA
CGACAAGGCAAGCCAGCAAGTATTCAATATCTCTGGTGAAAAATATGTTACATTTGATGGGTTAGCCAAAGCT
TGTGCTAAGGCTGGAGGCTTTCTGAGCCCGAGATTGTTCACTACAATCCGAAGGAGTTTGACTTTGGAAAGA
AGAAACCATTCCTTTCCGTGATCAGCATTTCTTTCATCGGTTGAGAAAGCGAAGAGCGTGCTCGGGTGGAA
GCCCCAATTTGATTTGGTGAAGGTCTTGCAGACTCCTACAATTTGGACTTTGGCAGAGGCACCTTCAGAAAA
GAGGCTGATTTTCAACAGATGACATAATCCTTGGCAAGAGCCTGGTTCTTCAAGCTTGAGGCATCCCTTTTCA
TTTTTTCTGTCGAGTTTTAACTTATTTTCTACCAAGCTGCAGGGGTTAGTCGACCGATCTTGGGTTGAGAAGT
CAATTTTAGGAATGTTATTTATGTATATGTATGGGATGGAGATTTTTAGAGAAGCATTAGAACTAGGCCTTGT
CAATTCATTAGAGACCTTCACTCAAGCATAGATAAAGTCAAATGTTTATGTATCATATGAAAAATGCAGTATAA

ATGATGTCATTTGTTTCTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_202 AY226999|Citrus limon vacuolar membrane ATPase subunit c" (VMA16) mRNA,
complete cds

ATTCTCACGCGCGCTGGACGTTTCTCATACTCATCCGTCGATCTCCACAATCTTCAGATCAGGAACCTATTCC
TCCAGGGTTAACACCGGCGAATTTAGATCAAATCCAATCCCTCTTCAGATTCAAGGTCGGAGATTGATAGTT
AATCATGTCTACCGCCGCTGTCCTTGCGCGTTCTAGCTCCTGGGCTCGCGCTCTCGTCAACATCTCCCCCTATAC
TTTCTCCGCCATCGGCATCGCCATCGCCATCGGCGTTTCCGTCCTCGGTGCCGCTGGGGGATTTACATCACGG
GAAGCAGTTTGATTGGTGCGGCGATCAAAGCTCCTCGTATTACTTCCAAGAACTTGATTAGTGAATTTTCTGT
GAAGCTGTTGCTATATATGGTGTCAATTGTTGCCATTATCTTACAGACCAAGTTAGAGAGTGTGTCAGCATCTCA
GATATATGCTCCCGAGTCTAAGAGCAGGATACGCAATATTTGCTTCTGGAATCATAGTTGGCTTTGCAAACC
TCGTCTGCGGGCTGTGTGTGGGAATCATTGGAAGCAGCTGTGCATTATCAGATGCCCAGAACTCCTCCCTTTT
GTGAAGATTCTTGAATCGAGATCTTTGGCAGTGCATTGGGTTGTTGCGAGTAATTGTTGGGATAATTATGT
CAGCTCAAGCCTCTTGGCCTGCAAAGAGAGGTTAATGATATGCCTCTTGGATTTTGAACACGAGATGTTAATG
TTCAATTACGATGGGAAGGGTAAGTTGTTTTCTACTCTTGAGCTCTGTACTTTACCCCTTCGATAGATAATGAT
ATTCTTCTGTAAAAGCTAGAGTGGGAAGTTTGATGCATCTTTAATTGTCTGGGTTTCGATCCGCTTCCCTTG
GAAAACCATTTCTTCATTCTGATGTTGGTTTAAATAATCTTCTTTTGCCTTCTTTTGTATGGGAAAACGTCTTTA
TATATTGTTTTGTTATTTGAAAATACTGGAGATATTCAATAAGAGGAAGCCAATGTAGTAGGATTGCTTCCTT
TTCCAGACGTGTGTAACATATTTTCTTGCAATTTAGTTCTTGAATCTTTATTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCAAAATTTTATCAAACCCGCC
ACCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTTCCCCCTAAAGGGAGCCTAATACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTT
TTAAACCCCCGGGCCGGGAAAAACCTGGGGTTTCCCAATTTAATCCCCTTGAAACACTCCCCCTTTCCCCGG
TGGGGAAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCCAACCCCCCTCCCCAACATTTGCCACCCGGAAGGGCAAAGGGAA
CCCCCCTGAACCGCCCTTTAACCGCGGGGGGGGGGGGG

>trans_s_203 NM_103632|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related
(AT1G47380) mRNA, complete cds

TGGTTTTGTGAAGACAGACAAAGATTTCAAGCAAAAGCACAAACATCAGGAACCACAGTCACCTTCATGATC
ATTGAGGGATGGGTTCTCACTGTTGCCTCTGTTGGAGATTCCCGTTGCACTTTAGAATCATCTGAAGGCGGCA
TATACTACTTATCTGCAGATCATAGACTAGAAAGCAACGAAGAAGAGAGAGAGCGTATAATTGCTAGTGGTG
GTGAGGTGGGTCGGCTGAATACTGGTGGTGGTGCAGAGATTGGTCCATTGAGATGCTGACCTGGTGGCTTGT
GTCTATCACGATCAATCGGTGATATGGATGTTGGCGAGTTTATAGTGCCTGTTCCCTATGTGAAGCAAGTTAA
GCTATCTTCTACTGGTGGTAGGGTTATTATTTCAAGTGATGGTGGTGGGATGCTTTATCAGCTGAAACAGCCT
ATGATTGTTGTCGGGGGATGCCAGTGGAAGCTGCTGCCGCACAGATTGTGAAAGAAGCAGTTCAGTCAAAGG
GACTTCGAGATGATACTACATGTATAGTGATTGATGTATTACCAAGGGAGAAACCATCTACTGCTTTGCCACCA
CCGAAGGAGCAGGTAAAAGGAATGTTTAAATCAATGTTCCGCAAAAGGTCTTCTGAATCATCTTCTCATTTTGA
GAGGGAATATAATGAGCCAGATGTTGTCGAGGAATTATTTGAGGAAGGATCGGCTATGCTGTCAGAAAGGTT
AGATTCCAAGTATCCAGTCTGCAACATGTTTAAAGCTGTTTGTATGTGCAATATGCCAAATTGAGATCCAACCTC
GGGGAGGGTGTCTCCATATATGCCGGCTCATTAACCGAGGAAAATTGCGTGCTGGGATGGACCTTTTCTAT
GCTTAGGTTGCACAGAGAAGAAAGAAGCTATGGAAGGAAAAAGACCATCTGGAGATAGACACAGCAGCGGA
AGTGACTAGCGTACTTTTCAATTACACTTCATTGTGGGTGCACTGAGCAGAGTTGATTGCGATCTTGAAAATG
GCCAGTCTTAGAAATTTTCAGAGTTGACCTTCATCTCGAAAATGGACCCCTCTCGGAGGTTTTCTCAATTCTCA

TTGCTTTCATTGAGAATTTGGATCACTTTTTGGATTCCACGACAATTCCATTGGGAAATATAGCTCTCTAGTGTT
ACTATTCAAGGCAGGAGATTGCCAGTTAGAGTTGATTGCTTTTGGATACTGTTTTCTGACACCAGTTTATGATT
GACGTGCTTGCCCTCGCATCTTGGGAAGCTTTCGATAAAGTCGCCTGTATATGACACTGAAGAGTGAAGGTAAA
TCATTTTAGTTTTCTCCATTCATCCCGTTATCTGCTTGTCTTCCAACCTACAATGCCACTGAATGAACATATTCGT
CATTGTAATTTAATATATAGGGGAATTTTATTAGATATTTTAGCTCACTGTTGGTTAGGAGGAAATCCCTTGC
AACACAGCTGTCTAGATGAATTGTTTCATACACATTTGATTACATTCTCT

>trans_s_204 NM_001070242|Oryza sativa Japonica Group Os09g0521500 (Os09g0521500)
mRNA, complete cds

AATCGGACTCGAACTCCTCCTGTAAATTGATTTCTTTGGAAGAGGAAGAAGAAGAAGATCGGCCACTTCAT
TCCTTCGCTTTCAATTCCCAAATCCGCGATCACATTCAAAGCCTACTCCAGTCGCCAGTCGCCAGTCTCTCTTAT
AGACACAGAGAGAGAGGAGAAGAGAGATAATCTTGGGAGCCCCAAAAGATGGCCGAAGAATTACCAGAAG
GTACGGTTCAGAATCTACTGGATCAAGAGTCTCTTAAATGGGTTTTTGTGGTGGCAAAGGCGGTGTCTCGAAA
GACCACCTGCAGCTCCATCCTCTCCATCCTTCTCTCCCGTGTGAGATCCTCTGTTTTGATTATCTCCACCGACCCG
GCTCACAATCTCAGCGATGCCTTTCAGCAGAGATTCACCAAGGCACCCACCTTGGTTAATGGCTTCTCCAATCT
CTATGCCATGGAAGTGGATCCTACTGTGGAATAAAGAGTAGGCGAGGGGATGGATGGCTATTTTCTGA
GCTAGCTAATGCTATTCTGGAATTGACGAGGCAATGAGCTTTCAGAGATGCTCAAATTAGTACAAACAATG
GATTATTCTGTAATTGTATTTGACACGGCTCCAACCTGGCCACACTCTGCGGCTGTTGCAATTTCCATCAACTTTA
GAGAAAGGGCTTTCAAAGATAATGTCTTTGAAAAGTAAATTTGGAGGCTTATTGGGTGAGATGACCCGTATGT
TTGGTGTGATGATGAGTTTGGTGAGGATGCAATTCTGGGAAGACTGGAAGGGATGAAAGATGTGATTGAAC
AAGTTAATAGACAATTCAAAGATCCTGATTTGACTACATTTGTCTGTGTCTGCATTCCCGAGTTTCTCTCGCTTT
ATGAAACAGAGAGACTAGTTCAAGAACTTACCAAGTTCGAGATTGATACTCACAATATTATCATTAATCAAGTA
CTTTTGTATGATGAAGATGTTGAATCCAAGTTACTGAAAGCAAGAATGCGGATGCAACAGAAATATCTCGACC
AATTTTACATGTTGTACGATGACTTCACATCACCAAGTTGCCATTGCTGCCTCAAGAGGTGACTGGGGTTGAA
GCTCTAAAGGACTTTTTCAGGTCATTTTTTGTAGCCCATATGAACCAACGACCAGCAGAGATTCAATAGAAGAAT
TGGAGAGAAAAATATCAACGTTGAAGCAGCAACTGAATGATGCTGAAACTGAGCTTGATAGAATTAGAAAAAG
GGAAGCAAAGGCGTAGAGCCCTCACTACACCCTTCTTTTCTCAACTCCCTATTTTCTTTGTCTTTTGT
ATTTGTTTCATCTTTTCTTTGAATTTATTTTTCGAAAATTATAATCTCGAAAGTGGCATCCCAGGTAAACAATGC
TGCGTAGGCTGCTTTTAAATTAGCTTATATTTATTTTGGAGTATTTTCTGGTGTATCCATTTTCTGGTTAATATAT
AGTTGTTTCATACAAAAA

>trans_s_205 D79217|Cucumis sativus CR20 gene for noncoding RNA

CCGGGGGCATCGGCGCGGACTTCGTTAGGGTTCCTAATCTTGGATTCTGTGTTTATGATCGGGGGTCAACGGA
GATCTTGTTGATTTCTGTTCAACGTAGCCAGAGAATGGATCTGCGGACGTCTGAGGCCGATGATCGTTCCTAT
AGCTATTTTGTGGGCGAGTTTGGCTGGTGGAGCCTGTCTGATGATCCAGATCTGCCAGGAGGAAACGATAT
GAAGTCGGATCTTGGATCTCTCCATTCTGATCTCCTTCTGGAGCCGTTGTCTGCTTGTATCGTCGACTTGTTTG
ATATCTATACAATCATGAGTTTGTATCGTTGTGGAAGATGCGATTAAAGAGTCTGATGAGACCTTTTTCGTA
TTCGATTGAAGCATAAACTCTGTATTTAATATAGAGCGCATCGGAAAGGATTAGATTAGTGTGCTCTGGAT
GTGAAAGGTATCGGGAGGACTTCCTCTTTGTGGGGGATGAATCTTTATGTTTCTTTGTCATCCGACCTTTGCCA
TGACAGGTGCGCTTGCATGGCAGGTCATCGAAAAAATAAAATAGCATCGTTTTTGTGTTTGGAGGAAGAAGCC
GCACGGGGTTTGCCCGGGGTTTCTTCTCGCTGCTGTGTGTTTCTTCTCGTTCTCTTACTCTCAGTTCGTCTA
TCTTCAACCGCCATCAACTGCTTCTTGGATTTCTCTGATTTTCGCGCCGTTTATGCCGAGGTAATTCCTGACGATT
TTCTTGCATGATTAAACAACACAGAGAAAGATAATTTATTCTCACATCTGCATCAATACTTAAACAATCATCT
GCATCGATTCTTAAGTATTCTGGTTATTTATCTCCACAATTCATATGTTTTCTTATCGAAATAACAAACACAAC

ATCGTCCTGTTTTCTTATCAACACGTATCGTTTCGAATTATCTGTTTTCATTTCAAAGATTTTAGGCCTGGTGCCG
AAATTATTTCAAAGTTTTCCCAAATTGTTTATTGAACTCTTTCGACAGTGATTTTGATGTGCAAGATCATTTTGC
CTCATAGATTCTCTTTAATAATATATTCATAACGATGCACATTTGTATTTTCTCTTCTCAAATTATATGTTCCCT
CAGATAACATTGCACGTCATCTTGATATTTTAAAGCTTAAAAGTAATAAGTACAAGAATATTGTAGTGAGTTAA
AATATATAATCTAATAGCGATTCTAAGTAATATATTATTTAAATCACCGTTCGTGGGTGCGTCCATTGCGGACT
ACTTACTAGACAATACGACTCTTCTACCCAAATCGACATATAGCTTTCAATTTGGCGCATTTGACTTTCCTATTCT
TTTTCTTGCCAAGTATGGAGAACTTTCTTGAGAACAAATTTGATGTAAAAGATTTGGTTTGTACTTCAGATGTTCC
AGTGGTGTGAAAGTCCTGTAAGATTTTTCAGTATAGTAGTATGTAGGTTTGAATTTGTATTCGTCTGTAGAAAT
CGAAACGATCTGAGGGTGGCGAGAG

>trans_s_206 BT010341|Arabidopsis thaliana At1g08760 mRNA, complete cds

AACCAATGCTCACATGGTAGCTGAATCTCTTTCGAAAACCTGTCTCTCTGGTTCAACCAATGAGAGCGAAGATA
CTGCTTCAGAAGAAACATTGAAGGTCACATCAATGGCAAGAAAACAGGCATCTGCTTGGGTCCAGGCGGCTT
TAGCCACTAACCTTTCATCTTTTGAGTTTACAGCCGTGATCCATCCTCGGCTCTAAACATGCCCTTATCTCTATC
TCAGAACCAAAAAGAGTGCTTCTGCAAATCAGCCTATTGTGGTTTTAGAAAACCTCATCTAAGAACAGCTCGTCA
AAATCCCAAGGGAAAATCCGCCAGATGATAAGCTCTAAACCTATTGGATCAGGAAATCCAAGTCGAATGAAG
GACGGAGCGACACTCGGTGAGAAGATGCAGCCTCAACCTCCACCAGAATGGATCAGAGGAAATGGCCTCAAC
GAAGCAGTCGACTTGGCCGAGATGTTAAGACTGCAATCCCAGGACTGGTTCTTGACATTCATGGAAAGGTTTT
TGGATGCCGGGGTCGACACTGCAGCCTTGTCAGATAATGGACAATTAGCAGGAATATTGACTCAGCTGAAGA
GTGTAAACGACTGGTTAGATGGCATATCTTGAACAAGGACGAAGGAGACATCACTCACATTTCAACTGAGAC
AATCGACAGGCTGAGGAAGAAGATCTATGAGTATCTTCTCATGCAGTTGAGTCTGCAGCCGCTGCACTTGGC
GGGGGATCACAGCCACCACCACAACAAATACAGGCAACCGAAACAAAAACAAGAAGGTGACTGTCAAAGATT
GATGTTGGTTTGATCTTAACATGAATTCTTACCCGAGTTTCGGTCTCGAGCATTAGATCATGTACATAGCTTCTG
CATCGGTTCTGTGCATAGATGAAAAGTGGCTATTGCTGGTAAGGAAGGATTAAGGAGTTAGATTACGGTTAC
CCTTCTATTTTCTTCTTTTTAACTTATGGGATTTGATTTATACAAACAACCTGGGTTTGTCTGTTTCAGCTTTACA
CACATAATAGTCAATTGTACATCCTGTTGTTAGTGAGAGTGCATATTGATGTTCTGAAGAAGCAGATAATTTA
TTCTATTTGTTTTAGAGCATGAGCTCTTCTTCTCTCTCGTTTACTTTATGCATTATATGTCACCTGATTTGAACAT
TTTGAACATCCAATTCTCAAGGGAGGGTAGTAATTTCTTGAAAAGCTGTTATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTTAAACCCCCCACCCTGGGGGGGGGGCCCCGG
CCCCAATTCCCCCAAAAGGGGGCCAAATACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTAAACCCCGGGGAGGGGA
AAAACCGGGGGTTACCCAAATTAAACCCCTTTGAACAACCTCCCCCTTTTCC

>trans_s_207 DQ787050|Glycine max bZIP transcription factor bZIP109 (bZIP109) mRNA,
complete cds

AGCAGCAGCAGGAGCAGAGCCTCAATCCTCTACTTCTCATGATCTGCGATCCACTGACGCCACCTCCACCATT
CTCCTTCTCCGTTCCGGCAGTTCCGCCGCCGCTATCTACGGTTAATTTAATTTAATATAGCATTTCCGATAACTAC
TCAAAACTTAATTCTTGCTCTCCGAGCTCCAATTCTCCGCTCTAGGGCTTCTGATTTGACGAACACCACTATGG
CTATGCAAACTGGAGTAGGGCTTTCTAAGATCCTGATTCTTGTTGGAGCTGGCTACTCTACTACGATCATGCTT
AAGAATGGTAAATTGTGCGATGTATTGGGTGAACCTCAGTCCTTGGTGAAGGGCATGGAGAAGTCTGGGGAG
CAATCCGAGGGTGATTCCGACTACGCTGATGCTATTGCTGCTCAGGTGCGTCGACTAGCTATGGAGGTTTCGAC
AACTCTCCTCGTCACGACAGATAACTATTCTCAATGGAACTCTGGGAATATTGGTAATTTATCATCTCTCATAG
TTCCAGCGGCTACTTTGGGTGCTTTGGGATATGGATACATGTGGTGGAAAGGGACTTTCTTTTTCGGATCTTATG
TATGTTACAAAGCGCAATATGGCTAATGCTGTCTCAAACCTTAACTAAACATTTGGAGCACGTGTCAGAGGCC

TTGCTGCAACAAAGAGGCATTTGACACAGCGGATTGAGAACTTGGATGATAAGATGTTGAAGCAGAATGAAC
TCTCGAAATTGATTAAAGAAGATGTGGCAGGTGTTCAAAAATCTCTTCCGACATTGACTTCGACTTGGGCGA
GTTGCACAACATGGTTTCTGGTTTGGACGGAAACTATCTCAACTGAATTTAAACAGGATTTTGCAACTCTTG
GTGTAATGTACTTGTGCAACGTTGTCGATGGAAAGCAAGTAAAAATGCCTGAAACATTAAAGGAGCAGTTTA
AAATTTCAGGCAAGGCTCAGGGTCAGCTGATGCCTCTGGAATCTCCAGTCTTAAGGGTCTTAAGAAGCTCAC
TGATACACTGTCAAAAGATCTTACATGCGAGCAACCAAGAGCCCTGCTCAGGTCCACATCGACGAGATGTTAA
TGAGAAGAGAGATTGTTTGTCTGCACCCTCCCGTGTTAATTCTACCATCATCCTCATAATTTGTTTAAGTTGTT
AATCATACATATATCCCAAGGAGGCGTTCTTTGGGCATTTCTTGTATGGATTTTCTTTTCTTTTCCCCCTAAA
ATCTATGAATAGTTTATGTTGGCAATGAGTATATTACGGTATGCGATGTTAGGACATTTTGGGGTGTGATTACT
CCTTCACACAAATAAACTTTTGTATTGAGAAAATTTAGTCTACTTCCAGATTCTACAAAAATCAATGATACGTAA
GGGTCATGGAACAGAATTTTACCCCGCGGTTGGCTACTACTTTTGCTTCTAGTTTTTTTTCTCTAAAATCACTGT
TAATTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_208 AL161577|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 73

AAATTAGCAGATGCAAAAAAAAAAACTTTACATCTGCACAAAATTTCCCCATTTTCTTCTTCTTCTTCTTC
TTCTTCTTTTTTGTTCCTTAACAAAAATCCCCATTAAATTTTGTCAATCTTGAAAAATGCCCTCTCTGAAG
ACGAACTTTTCCCTCCACGCCCGAAAGTTCAAGATCGACAGAAACCATCCCATGAACCGTCAATTCCACCGC
TGTTTCGCCTCCACCAGCACCATGTTCTTATGGGCTCTCTTCTTAATCGCTCTAACCGCTTCCTATTTAAGTTTCC
AATCCTTCGTCGACTCCGGTAGCCGCTATTTCTCCGCTTCTTGGGGTGGCATCCAATGGGAAAAACAAGTCCGT
GTTTCCGCTCAACCCACCGTACCAACGGCTTCTCGGTCTCGTCACCGGCGCTGCGGGGTTCTGTTGGGTTTCC
ACGTTTCACTGGCTTTAAAGAAACGCGGTGACGGCGTTGTGGGTCTTGACAATTTCAATCTTATTACGACCCA
TCGCTGAAAAAGGCACGGAAATCGCTTCTCTCAATCACGGGATTTTCGTCGTTGACGGCGATATTAACGACG
TTAGATTATTGGATAAACTCTTCGATGTCGTCGTTTTTACTCACGTGATGCATTTAGCCGCACAAGCTGGAGTT
CGTTACGCTATGAAAAATCCAAATTCCTACGTTCATAGTAATATCGCCGGTTTAGTTACGCTTCTGAAGCTTGT
AAATCGGCTAACCACAACCGGCCGTGGTCTGGGCTTCTTCCAGTTCGGTTTACGGGCTTAACGAGAAAGTCC
CCTTTTCCGAATCGGACCGAACCGACCAACCCGCAAGTCTTTACGCGGTACGAAAAAGCCGGGGAGGAAA
TTACGCATACGTATAATCATATATATGGGTTGTCGATTACCGGGTTGAGGTTTTTACGGTGTATGGACCTTGG
GGAAGACCGGATATGGCGTATTTTTCGTTCACGAGGAATATATTACAAGGGAAGCCGATTACGGTATTCCGA
GGGAAGAACCGGTGGATTGGCGAGGGATTTTACTTACATTGATGATATTGTGAAAGGGTGTGGGTTTCG
TTAGATACGTCGGGGAAGAGTACGGGTTCCGGTGGGAAGAAAACCGGACCGGCGCCATATAGAATATTCAAT
TTGGGAATACGTCGCCGGTAACAGTGCCGACGTTGGTGAGTATTTTGAGAGACATTTGAAGGTGAAAGCG
AAGAAGAATGTGGCGGAAATGCCAGGAAACGGCGACGTTCCGTTTACTCATGCAATATTAGTTGGGCTCGG
AGGGAACCTCGGGTATAAACCGACCACTGATTTGCAAACCGGGTTGAAGAAATTTGTTAGATGGTATTTATCCT
ATTATGTCTATAATCACGGAAAACCCGTAAATTAATAAATATATATTTTACTTCTTTTTTTTTTTTGAATTT
CTCTCTTCTCTCCTAATTAGGAATGAAATGGGGTAA

>trans_s_209 NM_001054144|Oryza sativa Japonica Group Os02g0654100 (Os02g0654100)
mRNA, complete cds

ACCCCCAACTTTTGTAGAAAACGATATCTCTAAGCTTTGTTATAAATCCAAAATGATTTAAAGTTTCATAAAACAA
AATCTTTTGATCGAATCCAATTCGCTCACGTTTTTCCATTCCGTCTTCTTCTCCCTTCTTCCCATCTTCTCCGT
ACAACCAACAAATGGGAGCTTTCAAATTCGATGCAGAAATCTCATCAACCTCCGAATTCACCTCAATCGTTCA
CCTCAGGACCTTCCGATTCCGGCCAACAACCTCCGTACAGACATTCCCAGCTCCACCCCTTCCGATGCCTTCAAT
TCCTTCTCACATCCGTGGCGATACTCATTGCAGAAATCTCATTTTGGACTCACTTTCTACTAAGCCTGTCCGG
CTTACCGACTTTCAGACTCTGATTCTGGAATTGTCGAGGTACATTTAGACAGGCCTGAGGCGAAAAACGCTA

TTAGCAAGGATATGCTGAGGGGATTGCGTCATGCCTTTGAATCCGTTGATAGTGATCCATCCGTCAATGTTAT
GATGATCTGCAGCTCTGTCCCAAAGGTGTTCTGTGCAGGAGCCGATTTGAAGTGCAGGAACGTAAGAAGATG
ACAGCATCAGAAGTTCACCTCTTTGTCACTCTGCGGTCTGCATTACATTTTTAGAGGCCCTTCCTATTCTT
ACTATTTTCAGTTATTGAAGGAGCAGCATTGGGTGGTGGACTTGAAATGGCTCTTGCATGTGATCTTCGGATAT
GTGGGGAAGATGCCAACTCAGTTTGCCAGAAACCGGACTGGCTATAATTCCTGGGGCAGGTGGGACTGCAA
GGCTTCCTAGGCTGGTCGGTAAATCAATAGCAAAGGAACTTATATTCACTGGTCGTAAGGTCAAGTGGTAGAG
ATGCTCTATCTATAGGTCTTGTCAATTACTGCGTCCCTGCTGGGGAAGCTTATGCAAAGGCACTGGAAATTGCC
CAAGAGATAAATCAGAAGGGTCCACTAGCAATAAAGATGGCAAAGAAGGCAATCGACGAGGGGCTCGAGGG
AGACCTGGAGTCAGCTATGGAAGTAGAAGATGAATGTTACAAAGAACTCTTGACACGAAAGACCGGTTGGA
AGGATTGGCAGCATTTGCCGAGAAGCGAAAGCCAAGGTATAGAGGAGAATAGATTGGTAACCATTCACCTT
GCTTGTTTCCACAATACAATGTGGTTACCTCTAATCTTCATTTTAACTTGAAAGGCTTCAGAACTGTACCAAAT
TCAGCTATTTGATCAGTGATGCTATAATAAGCAGCCTGAATGCTTAGTGTTTGCCTCATTGATCTCTGTCC
TGAAATTTAGAATTGTTCTTTGTTACTTTTAGTTTGCCAGTTGGATAATTAGGGGTGTAAAAATGGTTAGGGTT
GTCATTAACCAAACAACCTTGATTGAGTTGTGAATGATGTGAATGTAACTTTTTATTATCAAGTAACTGTGGTA
TTACTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_210 NM_001066823|Oryza sativa Japonica Group Os07g0618600 (Os07g0618600)
mRNA, complete cds

AGTCGGAGTTCCCAAGTCCGCTGCCAGTTTCTTCCTCAGCTCGGAACTCGGAGGAGATCACCGCACTCCGCC
GCGCACGACGGTGGTTCTCTTCGTCAAGATTAAGTAAACCAATCGGAGGATCGATCGGCC
GATATCACAAAAATGTCGGTGGAGCCGCTCTTTCCAAGAAGCAGCACGCTGCGATGTCTGCAATGCAGTT
TCAACACCTTCCGGCGACGGCATCATTGCCGATGCTGTGGAAGGACGTTGTGTATGAGCATTCTTCTTTCAA
ATGGCCTTGCCGCAAGTTGGTATTCATCTGTTAGAGTTTGTGCTGACTGTTTTAATAACTCCTCTCAATCT
AAAGTAGTTGGTCAACCGCCATCATTAGCTGTAGTTGATCAAGTAGGAGATACAGTTTCCCAATTAAGCCTTG
ATGGGGATCTAAATTCTGAGCCTAAACCAGCTGTGGAGCATCAACCTGCATTGGGAATTCCAGATTGCAAGTG
TGGAATGCCATTATGCATCTGTGAACTCCAGCTCAGCCAATGGAAACAGAAGCAGTACCTTCGAGAAAAAA
ACAGCTTCTACCTCTACTCAGTACAATCCAAAACCAAGAAAACCGACTCCAATCTAAGGAATAGAGGATCTA
CCTCCAACAGCAAGCTTCGGAATCTTGCTGATGAATCGAGGATTAATTATGAAGCAAGTGGCGAGGGGCTAA
GGGAAGCAATCAAGAATGGTGACACGATTGCTGTTAAGAACTTTTGAGCGAGGGTGTAGATGCAAAATTATC
ACGATAAACAAAGGACTGTCTTTGCTGCATGTGGCGGCGGTCTTAATCAGACTGATATTGTTTTGCCCTCATT
GAAAACGGGGCTAGCCTGGACTACAAAATGCTCAAGGAGAGACACCATTGGATTGTGCTCCGGCTTCTTTG
CAATATAAGATACGAGAGAAGATGGAAGGACAATGAGCAAATGAGGAGATGACCTCCCATCTTTTCCAGTA
AATAATACTTCCATATTCTCTGCACTAGTGGCTTTACTCTCTCTTTTATTTATTTATTTATTTATGACTTTTAA
GTAATTGTATAAACCATAAATCTTTGATTTAATCTATCCTTTAGATGGTCTCTGTAGTGAGTGATGTTTTAGAG
GCTGGTTGGGAGCTTAGTTGAAAAGCTGTATTTACTTTCCAAAACAAAATAGTTAGAGAGATATTTGGATGTC
TCTTTAGTTTCTAAATTTGTTTTGTGCTTCCTTTGACTTTTGGGAACCGAGTTGCAAAGTTTGATGTGTGTAA
GTTTGTGATGATGATTTTATTTGTTTTATTTTGTAGTTGGTTAGTCTAGGGTGTTAATGTGGTTGGGTTGAAC
ATCTTTTATAGATCCGACCTAATTGTTTGTATGGTAAGTTTCTTCGATCTAAATAACTGTTATTAATAATGGTTT
GGTTGGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_211 AF386991|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F7H2.8) mRNA, complete cds

GGTTCATGACATAACAGATGAATGTTTGGTTCACCTGAAAGGTGTGTTCACTGCCTGAAATTCTATTTGAATC
CATTTTAATGCCTCATTTTGTATTTCTTAATGTCAATGAAGCTATCTGCCCATCAGCCCTGTTACTGGTATTCAA
TAGACATTGTTTGAAATTAGGGTTTTCAAGCTCAATAAATTTACAACGTTATAATGCCAAGTCCATAAAGCTTA

TACGGTACTTACCAATAAACAATATTGCACAATAATCTCCTGAAATGATTTTTTTTTTTGAAGCTGTCTTTACAAG
TGTAATTAACACACACATATATATTTAATTTATGCAACAAAGCAGGTCTAACAAATTTGGAGAGCTTGAACCT
GGATTCATGCAGGATTGAGGATGATGGCCTTGTTAACTTGAAAGCTCTTCACCGTTTGAAATGTTTGGAGTTG
TCCGATACTGATGTTGGAAGCAATGGTCTACGTCATCTATCTGGTCTGTTTAATCTGGAGAAATTGAATCTCTC
ATTCACCGTAGTTACTGACATTGGCTTAAAAAAGCTGTCTGGGCTCTCATCTCTTAAATCACTTAATTTGGATAC
TCGCCAAATTACAGACATCGGACTTGCTTCCCTTACTGGTTTAGTAGGATTGACTCATCTTGATCTTTTCGGAGC
TCGTATTACAGACTCCGGAACAACTATCTGCGAACTTCAAGAACCTACAGTCCCTGGAAATATGTGGTGGA
GGATTGACTGATGCTGGTGTGAAGAACATTAAAGACCTGTCTTCCCTTGATGGTGCTCAATCTATCACAAAATG
GCAATCTGACTGATAAATCCTTGGAATAATTTCTGGTTAACAGGGTTGGTCTCTTTGAACATTTCAAATTCG
AGAATCACCTCTGCGGGACTACGACACCTGAAAACTCTGAAGAATCTAAAGCAGTTGACACTGGAGGCATGT
CGGGTTTCAGCAAGTGACATAAAAAAGCTTCAATCTACCGACCTCCCGAATCTGGTGAGCTTCCGCCCTGAGT
AGCCGTGAAGAAGAAGATGCCCTGTGATTCAACCTGCCACAAAGGCAGAGTTGTAAATAATGATATCCAGGC
AACAAGTTCTTATCAAATTGTACATAGTTTTGGATTTGTTTTAGGCCATGAGCTTCAAAGACCAAGTGTTTTTA
GTGGTTTTCTTTCTTTTCAGTCTAGTTTATTGGAAAAAAATTGGGTAAGAAATGGTAGAACCTTGCAAGCCAT
GGCAAAAAGAAGTGGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAACTTCTGTAAATACATCTTCTTCTCTGC
TAAGGCAGTGGAGAATGTGAATAATGCAGTTTTTATTATTAAGTTATTTGGTTAATATGTTGTTTCATGTAAAA
AACTGGAAATGGATACTTTTCCACTTTATGAACTACCCATCTTGTTATAATTTATTGTCAGATGATTTGGATTG
TACAGCGAAAAA

>trans_s_212 NM_001161228|Arabidopsis thaliana anac082 (Arabidopsis NAC domain containing protein 82); transcription factor (anac082) mRNA, complete cds

AGGCTTGATGATAAGAATCTGTCTTTAGAAGATGTTGCTCAGGATGCATATGTTCTCTGTGTTATATTCCAAAA
AGATGGTCCAGGCCCAAGGAATGGCGCCCAATATGGAGCACCATTTAAGGAAGAAGATTGGGAGGAGGATG
GTCTAGAGGAGGTTGATTCTTTAGAAGTCGATCTTCCCTCTGGCTTGCCGGTGCTTCTAATAAAGAGCCACTG
AATTCATTTGCTCCAGACAGCTCTCTGACACAGACTAACGTTTTTGGTTGTTTCATCAGCATCGTGTATCTCTGAA
AATGTGCGATCTAATTCAAAGGAGATCCCCCGATTGCATCTGGGAATATTGCTTCAGTAGAGATACCTGGGA
ACTGCAATATCCCTGATGATATATTTACCATTGAAGATTTTTTCTGAACATGGAAATGTGAATTTGGTGGAT
GCCAATGCATTTCAGGCTCCTGTTGGCGCTCCAATACATACAGATCAAGTTGATACAATATTTAAAGATTTAGA
AGATCTAGGTGGTTTGTCTCCATTGAAGGGAGATGAGAATGCTTATGAACTGGCCATGAAGTATACAGTTCA
GAACCAACATTTTCATTTAACAACAAAACAATGTCTTGTTGGACCACAGAGAATATTTGGAGATGAATGACCT
CAACGTTCCGTTGAGTTCTACTTACCGAGACAGGCAAAAGGTTAATGCTCCATACAGCGGTTCAAGCATCATT
GAACAGCCATGTTTCCCATATAGTTCTTTTGGAGCTGCTGCCAATCAGAATGTTCTTCATGTCAGTATCCTTCT
CTGTACCATTCCAATGATCAAATATGTCATCCCGCTGATCTTGATACCCTGATGCACACGCTGCTTCCATCCAA
TCTGCCTGGGTGCAGGAAAATTTTCATCCAATGCAAATGCGGGATGCAATGGCTATAAAGCTCCCTGGTTGG
ATCATGATGCAAACCTTCCATAAGGTATTCCATAATGCCTTTGAAGAGGGCTTTGGTTTTATCAATTCAAAGCC
ATTTGCACTGATGCAATGATAATCTGATTTGAGAATGAATGTGCAAATGCAACCTACCGTACAATATCATGATG
CATGTTTCTGGATAATTAAGAAGAACCTTGACGCGGCTCCCTGTTATCTTTTAGCTTTAATTGTTGGTGTAGT
AGCTTAAAGATATCATCCATGGCAAAGAATTTTCGAGGGGGTCTATTTGGCAGTTTGTGAATAAATTTTATTG
TGCTGAGAGATGAGTAGGTTAGAATCTCTCTCACGTATGCTGGATCCTTTATCTAATGAATAGACTTTAAAATA
ATAGAGATTGTAATGGCAATCTCTTATTTGGAAAACATGATATTAGACTTTGTTCTACAGGGTAAGTATAAGTT
TGGTACTTCTTTTCAATGGATCTTGCTCGAAAGGGATGGCTGGTAAGTGTTTTGGACAAAGCTTCATCTGGG
AGTTTTTAATATCATTGTTATTATTTGATT

>trans_s_213 XM_002874549|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family protein, mRNA

AACTCGACACGACCCTTTTCTTTCTTTTTGTTTCCTTCCTCTCTTATTCAACAACCTCTCCCTTTTCTTCTTGCT
TTTCCTTCTTTTTACCCACTCTCTCTAACTAAACTCTTGACCAAAAAAATCTCATGCTGAATCAAATCCCCCTCA
AGGGGGTGGACAAAACCCCAATTTCTCTCCTTAGACTTCCTTTTTTTTTTTTTTCAAATCTTCTTAATTTCTTT
GGCTTTGAGTTCAAAAACTTTGTGGGTTTCGTTTGGAATTAGGTTCTGAATAATGGGTAATAGCCTAATTTGTA
AGTCAAAGAAGGATGTCAAAGAGATTGGATCTCGAAGCAAGAGAATGGGTGCGTCCCAGAGGAAGTTGCAA
AGTGAGGAAGAGTATTTGCAGAAGCAAGCTCTCTCATTGGCTCTTCAACAGCTTCAATTATCTCAGAGGTTTG
ATGGATCCACTTCCAAAAGAATTGGCTCGACAAGCTCTCGAAGACGCAATCTCTCCGATCCATTTTCTAATGGG
AAGCAGGGGAAGAAAGATTCAAAGTTATGTGGAGCAGATGTGGCTTCTGGTGAAGCAAATGTGCAGGCACC
TGAATTTCTGGAAAATCTGAAAGAAAAAAGTTCGTTTTAGTTCATGGTGAAGGATTTGGAGCTTGGTGCTGG
TACAAAATATTTCTCTACTAGAGGAAGTCGGATTATCTCCCATAGCCATTGATCTCAAAGGTTTCTGGTATTG
ATCTAACAGATACAAACAGGGTGAATACTCTAGCAGAGTATTCAAAGCCATTGACTGATTATCTACAAGATCTT
CCTGATGATGAAAAGTTGTTCTAGTTGGCCACAGTAGTGGAGGCGCTTGCTTTCTTATGCATTGGAACATTT
CTCAAATAAAATATCGAAAGCAATTTACGTCTGTGCAACGATGGTGGCTACTGGCCAGAGACCTTTTGATGTA
TTCATGGAAGAGCTTGGATCTGAAGAGATTTTTATGAAAGATTCGAAGTTTTTGATCTATGGGAATGGAAAAG
ATAAACCGCTACAGGATTCATGTTTGAGAAAGAGCAAATCAAAGGGTTGTATTTCAATCAATCTCCTACCAA
GGATGTTGCCTTGGCAATGGTTTCAATGAGACCCTTCCATTGGGTCCAGTCATGGAGAACTCTCACTATCCC
CTGAAAATATGGAACGGGGCGCCGATTTTTCTGTCAAACGCTCGATGATCACGCACTCTCACCTGATGTTCAA
GAAAAGTTGGTGAGGGTAAATCCACCTGAAAGAGTTTTCAAGATAAAAGGCAGTGATCATTGCCCCTTTTCT
CTAAGCCACAATCACTACACAAGATTCTCTGGAATTTGCTCAAATACCATAATCTAGGCTCACTCTCCATCTGT
CTCATAGAAAGAACAAAAAGAAGAATATTTTTCTTCATTTCAATTTCTAAGTTATTTATTTATAGCAAAACCCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_214 NM_115982|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT3G61180) mRNA, complete cds

TTCTCATCCTTCTAGGGATTCCACCTGATTCTTCTTCCTCCCTTCTTTCTGATCTGTCATACCCCGAATTTCAGC
TTGATTCTTCACGATAACTTCAATTTGATTGTTTTGCATAACCCCTTTTGTTCTTTTCTCAATGAATCAATCCG
TTTGAGTTTTCTGATTGCGTAACCTAATTTTCGGATTGAGAGTTCTTAAGGTTTTTCCGAGTTCCCTTCAAAC
TTCCAGACTAGAGATCCACAGTAATCGAATCGCCAGAATGCGTGATTCAATCCACACCCTTCTACTCCCTTC
AGGGCGGTGGATAATTCGCCTCTGCTTGGCCACTCCGTACCAATGGCCTTTTCCGTTACGAGGGTTTATTCG
TCGTTGCGCTCAGCCTCTTCGTGGCGCTGTTGCTTCTCCGCCGTGCAAGTGGCCGCCAGATGATGCTCCGAG
AGCCCTCTGTTGCTGTCCGTGAGACCGCCGCCGAGCAGCTCGAGGAGCGGCAGAGCGATTGGGCGTATTCCA
AGCCCATTATTCTTGGACCTTCTATGGAATTTGGCCTTCGTTCATCATTAGTTTCACTGTCCTAGGGCTTAGCA
CGAGAGAAAACCTTCAGTGCCTCTTAGGTTTTGGATCATCGGATATGCTTTACAGTGTATAATTCACATGTCC
CGTGTTGCTGTTGAGTATAAGCGTCGGCGCTCTACGAGGGAACCCGCTGGATTGGACCGTAACAGTGGCTGG
ACGAGCGGCGAGGATTCAAATTCGGTTTCTGGAAGTGATGGAGATGATTATGCGACCGAGCAGACCGGGAA
TGAAGATGAATCTAGCAATCTTGTGAAGCATATTGAGTCTGCAAATACAATGTTCTTTTCTCTGTTGGTGGCTGT
TGGGCTTTTATTGGGTAACCTGCGGGAGGCCAAGAATTGATAGAGGGTTACCTCAGCTATACTGGCTCTCTAT
TACGTTCTTGCATTTGACGTCGTGTTTGTCTAATTTGCGTTGCAATTGCATGTCTTGTGGTGTGCTATTTG
CTGCTGTCTGCCTTGCATCATTGCCGTCTTGTATGCAGTAACCGATCAGGAAGGAGCTACAAAGGAAGAGATC
GAACGCTTACCAAAGTACAAATTTAACAGAACAGGTGATGTTGAGAAAGTGAATGGTGATATTCAAGAATCA
AGCGGAGGAATAATGACCAACTGTGATACCGAGGCACCTACGGAGCGCTTCTTCGCCCCGAAGATTCTGAG
TGTTGGATCTGCCTCTCTGCTTACGAGAACGGAGCGGAGCTACGAGAACTTCCCTGTAACCACCATTTTCACTG
CAACTGCATCGACAAATGGCTCCACATGAATGCCACCTGCCACTCTGCAAATTCAACATCTTGAAGCCGAACA
GTTCCAGTAGCGAAGAAGTGTGAACGAAATGTACGAGCGATGAAACATAGACAGAGAATACAGAACTCACCA
CAAAAAACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_215 XM_002886176|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata dihydrofolate reductase-thymidylate synthase, mRNA

ATCTTTTCCTGTGGTTGAAAATAACTTGCATATTCTGTTAATAGTTATGTTCTGTGAGGAGCTCAGCCGAAC
TTCCTATTGATCAGAACAATGGTTTGGTCTCTCATAACAAGCCTGACTTTTCTAACATTGAAGCTAAGAAGTTT
CTTTCCTACCTAAGGAGATTTTCGAGAGGCATGAGGAGTACTTGTACCTAAAACCTTGTTCAAGAAATCATCTCA
GATGGTATTCCTAAGGATGATAGAACAGGAACAGGTACTTTGTCAAATTTGGTTGCCAGATGCGGTACATTT
GCGCAAGACTTTTCCACTGCTTACAATAAGAAAGTATTCTGGCGAGGGGTGGTTGAAGAACTTCTTTGGTTC
ATTAGTGGTTCAACCAATGCAAAGGTTCTTCAGGAGAAAGGCATTTCATATATGGGATGGCAACGCATCCAGA
GATTACCTCGATAGTATCGGTTTAAGAGAAAGGGAGGAAGGTGACTTGGGACCTGTATATGGGTTCCAGTGG
CGACACTTTGGTGCTAGGTATACGGACATGCATGCTGACTATACTGGTCAAGGATTTGATCAGTTGCTAGATG
TTATTAACAAGATAAAAAATAATCCTGATGACCGGAGGATCATTCTTTCTGCATGGAATCCATCTGATCTCAAA
CTGATGGCACTTCTCCTTGCCACATGTTCTCTCAGTTTTACGTTGCAAATGGGGAGTTATCATGTCAAATGTAT
CAGCGTTCTGCTGACATGGGCCTTGGTGTTCATTTAATATTGCGTCATATGCTCTTCTGACTTGCATGATCGCT
CATGTTTGTGGGCTTGCTCGAGGTGACTTCATACATGTGATTGGAGATGCTCATGTTTACCGTACTCATGTGAG
GCCATTGCAGGAACAACCTTCAGAACTTCCCAAACCTTCCCTATTTTGAAGATAAATCCCAGAGAAGAAGGAT
ATTGATTCTTTTGTGGCAGATGATTTTGAATAACTGGTTATGACCCTCATGTGAAGATAGCAATGAAAATGGC
AGTATAGAACTTGATCTAACTGTCCAGCAAACAAAGGAACTCAGTTCCTTTTATCACAATCTCCAAATTTTGA
GGTACAAGCATCAGAGCCTAATTTGGTTGATAGGGTCTGCAAATAAAAAGTGCTAATTGGATATACTTTATAC
TTTATCATGTGTAGTGAGAATCCTTTAGTCCCTATGGGTGGGTCTAAAGTGATTGAGTTCGGTTTTGTATTTGCT
ATAGCTTTCTCTCATTGGAAAATGGAATGGTTTCACACACTTGAATGCACGGTCATGACTATTACAATACCGTG
CTACATACAAATATAATGTAAGCTCGACCGATCATTCTCGAACTTCATCTGGTTTTGAAAGGATGGTGAATTTG
ATAGACTGTGTTGTGACTTGTGCTTCTCTTTTCTAGTTCTCGCTACCTTAAAAAAATTTGTCCATTATCTCATG
TTAGAAAAACAATGGAGTTGGGAGATCTT

>trans_s_216 AB066298|Brassica napus gdh2 mRNA for glutamate dehydrogenase, complete cds

GAGTCGTCTCAGATTTACAAAAATCGCAGCCTATAAAATTCCTTTTCATTTTTCTCTCCATAACCACAAATCCA
TCCCTTTGAATTTTCCCATCAATCTCTCTTCTCCTTCAGATTTCCCTACTACTACTACTCTCTCTACCCAT
GAATGCTCTTCAAGCTACCAACAGAAATTTCCGCCATGCTGCTCGGATTCTCGGCTTAGACTCCAACTCGAGA
AGAGTCTTCTCATTCCCTTCCGTGAGATCAAGGTTGAGTGTACGATTCCCAAAGACGATGGAAGCTTGGTGTCT
TTACGTTGGGTTGAGAGTACAACATGACAATGCTCGTGGCCCTATGAAAGGAGGGATCAGATACCATCCTGA
GGTTGATCCTGATGAAGTTAATGCTTTGGCTCAATTAATGACCTGGAAGGCTGCTGTTGCTGATATCCCATATG
GTGGTGCAAAGGGTGGCATTGGCTGCAACCCAAGGGAGTTAAGCAATAGCGAGCTCGAGCGTTTGACTCGTG
TCTTTACACAAAAGATTCATGATCTCATTGGAATTCATACTGATGTACCAGCTCCAGATATGGGCACAAATGCA
CAGACTATGGCATGGATTTTGGATGAATACTCAAATTTACGGTCACTCCCCGGCCGTTGTCACCGGGAAGC
CCATAGATTTGGGTGGATCACTTGGTAGAGAAGCTGCAACCGGGCGTGGTGTGTTTTGCAACAGAGGCAT
TACTTTCCGAGCATGGAAAACAGATCAAGAACATGACATTTGCAATTCAGGGGTTTGGAAATGTGGGATATTG
GGCATCAAACTTAATCATGAGAAAGGGTGGAAAGGTTGTTGCTGGAAGTGATATCACAGGCGCTGTAACAA
ATCCAAATGGTATCGACATTCCAGAACTTTACAAGCATAAAGAAAGTACTGGAAGCCTAGTGAACCTTTCAAGG
TGCGGACGGTATGGATGCAAATGAGCTACTTGTACACGATTGCGATGTCCTTATCCCTGTGCCTTAGGTGGA
GTCCTAAACAGGGAAAATGCTGGTTCAAGTGAAGCCAAGTTCATAGTTGAGGCAGCAAATCACCCACAGAT
CCCGAGGCAGATGAGATCCTATCTAAGAAGGGAGTCGTAATTCTACCCGATATATATGCGAACTCCGGTGGA
GTCACCGTAAGCTACTTCGAGTGGGTTGAGAACATTCAAGGTTTCATGTGGGATGAAGACAAAGTAAGCAAT
GAACTTCAAAGGTACATGACTAGAGCATTTTATAACATAAAGAACATGTGCAAGACCCATGATTGCAACCTGC
GGATGGGCGCTTTACGTTGGGTGTAAACCGTGTCGCACGTGCCACACTTCTTAGAGGTTGGGACCTTAATTT

ATAGATTGATGATTTCATATGCTGGAGAATCTTATTTGTCACCATGGAAGAAAAGCATTCAAGATGGGATTTT
AACTTTTATTTGGCATTGTTCTATTGATTTTCTTCCACTT

>trans_s_217 BT003333|Arabidopsis thaliana expressed protein (At3g03570) mRNA, complete cds

TATATTGGGGATTGAATATCAAATCATAATGGGTAGATGTATTTTCGTCCTTTGACTAGTTGAGCTAGTCTTT
TTGTACCTTTCTCCCCACATCTATAACTTGCAATTTCTTCTTGTATATTGTTGATAATATATGCTAGGGATAAGTT
TTTATGCAGGATAGGATTCAGACCACCAAAGATAGTCAAATGATATCTTTGTTCAATTAATAGATGGTCTTGCT
TCAAGAGACAAAGTGCCTTCGTTTTAGAGATGGTCAAACCTACCATATAAGTTAGCTAACTCAACACTGTTTCT
AACACACCTGCAAGAATGTGGTGGCAACTAATAATTAATTAAGTGCAAGAATTACGTGATTAGGTCTCTA
ACTTCATTTTTTTTTCTTTAGTTTATCTTTCCATTTAATACTATTGTACTACATTTTATACATCCACTGTAATTGGA
AATGAATTGCTTACTTTGGTGGCTTATAATTCATTAACCGGTTAAGGTGCATAAATCCTATTCACTTAAATTTTG
TTTACAGGAAGGCTGTTTCTTTCACTTTTACTGTGAATCTGAATACATGTTTAGTTAAAGGATTCGAAGCTTTTC
CGTCCGTATAAAACCTCAACTTCCAAATTAATTTCTCTAATTGGTGAAGAGTAGTTTTCTTCTTATAGTTTATAG
TCCTCTTCAGGATTAAGCTGCATATATCCAAGCGATTTGGTTCATTTACTAGAAGACCATTTCTTTTAGTTATT
GATGGTGATGGCAGCGAAGCATTGAGACTATTCATGGAGCAGAAAAGGGAGAGCCAGCTGCAATGCTGTT
ATCTCCCTCTGCTACTAGTCATGCTGTTGCTACCGATTATCCCGTCATGGAAGCCTTTTCACCCTCTTCTCACC
GCCCCTCTGCATGCTTTCTGTCTATTGCTCGGTATCTCAGGTTCTGATGTTGAAATGGATACATTTAGTAAAGCT
GAGAACGTGCTATCCTCGTCATTAAGTGAGTGGGGGCAGTTATTGGTGACATCAGAGAGCCTTGACCAAGTTT
GGGCACAGATTTTGAATGATCCATTCTAAGGAGACTTCTCTTGAGATTTATATTCTGTCGTTCTGTGTTAACA
CTCTACGTGCCAACCTTGGGTAAAGAAGGAATATGTTCCGAGGTGTGTGCCATCTCTGCCCTCCGTCGTCGATCC
GACAACAGCAACATTGCAATCTGTAGTCATGAAGATAGCTAATATCCTTGGTGTAAAGCCGAGTTTCGTCTTCT
CAGAAAACCTGCTACTTTCTGAAAACCTAACAATGAAATGTGTTCTAAAAGAACTAGCAAATCTGTATTACTTC
TTGCTATTTTTGGTGTGTGCTTTTTGTGTAAATGGATTTGGAATATCTTTGGCTGTGATTGAACTGCAGAGAAT
GCTAAGTGGTTTTGAATGTTTCTTAAATATGACCTAAATGCATCATTTCGATCATTGGTGGTGATACAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_218 NM_001059595|Oryza sativa Japonica Group Os04g0472300 (Os04g0472300)
mRNA, complete cds

AACTAAATCACCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAATTGCCAGCTCCAAACACCTTCTCTG
CCGAAACTTCTCTCTAATTTTACATTATAGCTCATCCATTGATCTCCACCTATCTTCTCCGATCAACAGCTG
TGGATTTCCCGGCGGACGCTTCTCAACTTCCAATCACTTGCTCGAACAATTTCCGGCAATGTCTTCTTCTTC
CCGCTCTCTCCTATTTTCTTCTCTGTTTCTTCACTCCTTCTCGCCCTCGTATCAGCTCAGGGATCTAACTCTA
CAGCTCTATGGCAGACTCTGAGTGGAGATGCTCCATTTGTTGTGGCTCGCGGTGGGTTTTTCAGGGCTGTTTCC
AGATTCAAGTGGAGTTGCCTACAATTATGCAGTTATGGTTAGTGTTCCTGACGTGATCTTATGGTGCGATGTG
CAATTAACCAAAGATGGAGTTGGAATCTGTCTCCCCGATCTGAAGCTTGACAATGCTACTGATGCTCCGACTAC
TCTGGGGAAAAACCGCACTAGTTCTATCTTGTTAATGGCGTCCGTACGAGTGGATTGTTTACCGTCGATTTTG
ATTTCAAAGAACTGGAAAATGTTTCTTGTTCAGGTATCTATTCTCGATCCACCAAGTTCGATGGCAATCAG
TTTGTTATTCTTACTGCTGAAGATGTGGCTAATCAGTTCAAGCCACCAGGATTTTGGCTTAATATTCAGCATGA
TGTGTTCTTCACGCAGCATAACGCGAGCATGAGAACTTTGTACTTTCTGTAACCAGACGCATCGTTGTTAACT
ATATATCATCACCAGAGGTGGGATTTCTCAGAAGTATAGCTGCACGAGTTCCCGCACAACAAAGTTGATCCT
TCGGTCTTAGGACCAACTGATACAGAGATTACCACCAATCAGACATATGGCTCGCTCTTACGAAATCTCACCT
TTATCAAGACATTTGCTTCTGGAATTCTTGTTCCCAAGACTTATATATGGCCTATGGGTACAGATGGTTACGTA
CAGGCTCAAACCCCTCTGTTTCTGATGCTCATAAAGCACAGCTGGAAGTTTTTGCATCAGAGTTCTTTAGTGA
CCTTCCACTAGGCTACAACCTACAGTTATGATCCCGTTACTGAATACCTGTCTTACTTTGACAATGGTAAATTTTC

AGTTGATGGTGTGCTCAGTGATTTCCCTATTACTCCATCGTCAGCTATTGACTGTTTTGCTCATCTGGATAAAAA
TGCCAAAAGTCAAGCCAAGCCTTTAGTTATTTCAAATTTGGAGCTAGTGGAGACTATCCTGGTTGTACAGACT
TGGCATATACCAATGCTATGTCAGAGGGTGGTCGAAGTGCTCGACTGTCCCGTTCAAATAACAAAAGATGGA
ATACCATTTTGCATGAGCTCAATTAATCTCATCGACAGCACACAATATCTCAATCACCATTATAAACCGTTCN
AAAAAACATCCCTGAAATT

>trans_s_219 NM_124996|Arabidopsis thaliana KH domain-containing protein (AT5G56140)
mRNA, complete cds

AAATAAATATAGATAGAAAGTTAAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGGCACAGCAGTTGTACTGTGCA
TTATTTTCCACCGACGCCAGATTGATTCAGCGTCTGGTCGGTATCGCCATCGCCGCCGTATCCACTTCTAATC
CTGGCCGTATCCATATCCACTCACGTCTCCGGAGGGAGAGAAATGACGTCTGTCTGCAGCCGGGATGTACATG
GCTTCTCTCCCTCTCCTTCCGCTCCTCACTCTCTCATCTTCTGGTCTTCGCTCTCCCTCCTCTGCATCTGCTGC
TGCTATACTCGAGCAAGAAAAGTATCTCTCTGAGTTATTGGCAGAGCGACAGAACTTAGTCCGTTTATGCCT
GTGCTCCCTAATAGTTATCGCTTGCTGAACCAAGAAATATTGCGTGTAACCACTCTATTGGGGAAGGCATCAG
TTTTAGGTCAAAGTGGGCTTGAACATGCCAGCCCCCTGGCTTCTGGAGGAATATTTTCAAATGGAGGTGCTGA
CATGAGTGCATGGCCATCACGTTTCAATCAGAAATGTCAGGTTTATTACAAGCATCATCAGCACAAAATTGG
CTAAGTTCCCAAGGTAGTTCATCAGGTCTTATTGTGAAGAGAACCATCAGAGTAGACGTTCTGTTGACAACTT
TCCTAATTATAACTTTGTCGGCCGCCTTCTTGGACCCAGGGGAACTCTCTCAAGCGAGTGGAGGCAAGTACT
GATTGTGAGTTTTGATTAGAGGGCGTGGTAGCATTAAAGGATCCAGCTAGGGAAGAAATGATGAGAGGAAA
ACCAGGTTATGAGCATTTGAATGAGCCTCTCCACATCCTTGTGAGGCGGAATTGCCAGTTGAAATTATTGATG
CTCGCTCATGCAAGCCCGTGAGATTCTTGAAGACTTGCTCAAACCAATGGAAGAATCTCATGACTTCTATAAG
AAGCAACAGCTACGGGAAGTAGCCATGCTTAATGGCACGCTTCGTGAGGAGGGCTCGCTATGTCCAGTTCC
GTATCTCCCTTCCACAATAGCCTTGGAATGAAGAGAGCAAAAACTAGGGGGTAAATGGAATTGCTGCTTCATA
GAAGAGGCTTTTGGAGATCTTTTTCTAGTGTCTGGGAGTAATCAGCAGTCCCATTCCAAGGTGTTGCCTGCAG
CCAATGCCTTCACTGCAATCGGGGCACTCGCACTCTTACGTTACGTGCAGGTTCTTACTAAAATTTATATGGTG
TGTTTATGTAGTATTCGGAAGAGAAGGTAATGTACTGACGTGGAAGTGTAATCAGTTAAGTATTACTAGTGA
TTGGGGGGTGGGCTATATATATCTATATTTGTTGCTCTAGCAGTTAATGGTTTGAAAAATCTCTCCAACAATTT
AATGTGTGTTATTTACTAGGCTTTTTTATAAGGTTATGATAGAAGTTTCGATATTATGTAGGATGGTGGGTTCT
TTTGGGACTTTCAAAGAAAAAAAGGGCCCAGGCTT

>trans_s_220 AY219234|Nicotiana tabacum arm repeat-containing protein mRNA, complete cds

AAAATTTGAAGCTGCTAGGGAAATAAATTTACAAGAAAGCCAACACGAATTTAGGAACTCAGCACCACCTTT
GTTTTCATTTGGACACTGCTTGATGTTGGATCTGCCTCTGATCAATCTATTACAGAAATTTAGGCCACCAAGT
GTCAGTGGACTAATAGCTTGACCAAGGAATTATTGGGAGGTAAAGTCGGAGCCATCAACTTACTTGGCTTTG
ATCATACTGCTGACAGAAATCAAAATACCCGTCTCAAATGCTGATAGCAAAGAGTCAAATATCATGCCAACAG
CCGTATGAAAGAATGGTCCATGAAATAGTTTTCTACTCCTGTACTGGAGGTTATATCTGACCTCACAGGCATTAA
AGCCAAAGTTCAAAAGCTGGTTGAGGACTTGAGGAGTGATTGCTTGAAACTCTAAGAACTAGTACAGCTGA
ACTACGGTTGCTCACCAAGATTGATGCGAATAATTGGACGGTGATTGCAGACTATGGAGCAATTAGCCTTTTG
GTCAATTTGTAAATTCACGGACACTAAGATTCAAGAGAATGCTGTTACAGCACTTGTGAACTTATCAATCGA
CAATAATTGCAAACTATCATTGTTCAAGCCAATGCAATTGAGCCTTTGATTATGTTCTTCAAACAGGTAGCC
CGGAGGCAAAGGAGAACTCAGCTGCTACTCTTGGTAGTCTTCCGTGGTTGATGATAACCAGGTCAATATTGG
GAGGTCTGGGGCAATAGGGCCTCTGGTTGACTTGTGAAGGATGGTACTCCTCGGGGAAAGAGAGATGCAG
CTACCGCACTGTTTAATTTGTCATTGCTTCCGAAAACAAGCCAAAAATTTGTGGAGGCTGGATCAATCAAGCAT
CTTGTGAAGTTGATGGACCCAGCTACAGGAATGGTCGAGAAGGCAGTAACCGTCCTGGCAAATCTTGCATCA

ACAGATGAAGGAAGGATCGAAATTGTACGTGAGGGTGGTATTGCTTTGTTGGTTGACACTATTGAGTTAGGT
TCTGCCAGGGCAAAAGAGTATGCAGCTGCAGCATTATTGTGGCTTTGTGGAATCACGAGTAGATATTGCATCA
TGGCAATCCAGGAGGGAGCTATTCCACCATTAGTGGCACTTTCACAATCAGGCACCGCACGGGCCAAGGAAA
AGGCCCCGGGCACTACTCACCTGCTTCAGTAGAAATAAGCTCACATCACATTAGTAGGGGATCGGAAGGGACC
AGTTCATAGACATGGTTTGGCACTTACAGCTTTGTTCTGGTGTATCTGCATTAGATGGTACATATATTNGGG
GTGTTGTTAGATAATTATAGTTGCAGAAAGGATTAAGGGGAAAAGAAAACCAAAGAATGGCAGGGGTTTGA
TGATTTTTTATTGTTTCATGCTGAATAACCGACTTTGTTGTGCTGGTCTTCAGAAAATTGATCAATGAAATCATT
GAAATGTTCTTGCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_221 DQ119290|Capsicum annuum GDSL-lipase 1 mRNA, partial cds

TTCACAAGTTTAACAAAAGTAGCTATCGATCCACTTTATAACTGAGATCTTCCAATTTTGTCTTTGAATTATGGG
TATGGCCGCCGGCTGGGGTGTCTCAAATAATCAACGTCGTCTATGCCCTTTGTTTCTTGCTCTGCTTCTTGTC
CCGCTTTCTCTTCTTCTTCCAATGCTCAGCAACAACCCCAAGTTCCTTGCTATTTCAATTTTGGTGAAGTCTTTAGG
TGACAATGGTAACAACAATCGTCTTTCTTTGGCTCGTGCTGATTACCTCCCTTACGGTATCGACTTTCTCG
GGGCCAGCTGGAAGATTCTCAACGGCAAAACCACCGTTGATGTCATTGCGGAGTTGTTGGGGTTTAATGG
CTACATCCCTCCTTATTTCAACACGAGATGGCGAGACATACCTCGAGGTGTGAACTACGCGTCTGCAGCAACA
GGAATCAGAGAAGAACTGGCCAACAATTGGGAGGGAGAATTAGCTTCAGTGGCAAGTAAGAAATCACCA
AAACATAGTTAGACAAATCGTAAATATTCTTGGTGATCAAAATGCAGCTGCTGATTACTTGAACAAGTGTATAT
ATTCTGTTGGATTGGGTAGCAACGACTACCTTAACAATATTTTCATGCCTCTAATCTATTCGTCAAGTCGTCAAT
ACTCGCCTGATCAATACGCTCAAAATCTCATTCAACAATACACACAGCAATTATCGATACTGTACGACAATGGA
GCAAGGAAGTTTGCCTTGTGGAGTGGGCCAAATTGGGTGCAGCCCAATGCATTGGCAAGTAGCCAGAT
GGGAGAAGTTGTAATCAAAGATACAACTTTGCAAACCAATGTTCAACAACAGATTGAAAAGCCTTGTGGATC
AACTCAACAGAGATCAGCCTGATGCTAGATTCAATTCATCGACTCTTATGGCATTTCCTCAAGATATCATTAAC
AGCCCTTCATCTTTTGGTTTTAGAGTCACAAATGCTGGATGCTGTGGGATTGGGAGGAACAATGGCCAAATAA
CATGTTTGCCTTTTCAAACCTCTTGCTCCAACAGAAGAGAGTATCTCTTTTGGGATGCCTTCCATCCAACCTGAG
GCTGGAAACACCATTGTTGGAAGAAGAGCCTACAGCGCTCAACGTCCCTCCGATGCCTACCCGATCGACATTC
GTCGCTCGCTCAACCCTAGGCGTAAATCCAACCTTATAGGAAGTTATATATAAGTTTGTGGGAAGAGTTTTAAT
TAATTTCCCTTTAATTGCTTATGTTAATTTGATGATATGTGCCATTCTTGAGAAAAGAACATGTGGATGTGTGC
TACTCAATTTATGGCTTGTGTTTGTATTTAGGTGTTTGAGATTTTATCTATATCTTTCATGATATGTCCCCAGGA
AAATCAATTAATGAGAAATGAATTATGTTATATATAAATATTATCTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_222 AF370604|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g43340; T1024.8) mRNA,
complete cds

AACGCGTTTGGCCGAAAAACCAAAATAACAAACGACCGAAACCGCCGAATCTCAAAATTCAAAGGAAAAAA
AAAAAAAAAATGAGTTCCTTCCAATCTCAGATTTCTCCTGTATCCGCCATTGAAGGGGACCCAGAAGCTCAA
ACCCTCCACTTCCAATCTGAATTCAGCTCTGAACACGATCGCGACGAGTCAGTTCTTCTACCTACTGGAACAA
CACCAAGAAGAACCAGATCTTGCTCGAGGGTTTTGTGCGAGGCTTCAGATGATGATAATTTGACTAGAACAAAG
AGCTTGACAGATGACGATCTCGAGGAGCTCAAAGGATGTGTGGATCTAGGGTTTGCCTTTGCTATGACGAG
ATTCTGAGCTCTGTAACACCTTGCCGGCCCTCGAACTCTGTTATTCCATGAGCCAGAAGTTTATGGATGAACA
CCAAAAGGAACCGGAAAAATCCTTTACCCGAGTCGGTGGATTCTGTTTCCGGTCCCATCCCGAATTGGAAGATC
TCTAGTCTGGTGATCATCCAGAAGATGTTAAGGCGAGGCTCAAATACTGGGCGCAAGCAGTGGCTTGTACT
GTCAGATTATGCAACTGAAGGAACCTGAAAAATTAATAGACTGTTGCGGATGGAGATTTTTCAAGATTGTTAG
AGAAGATGACATGGGTCTTCTTCTTGAGCTTGTGCTTGGCAATCCATTTAAGAAAAGCAAACTAAAAAAC

CATCTCCATAAGATTTTCCATTTGTAGCCAGAGATGGGTTTTTCTGAGACCGTGTATGTTTGGTTTAATTTTGA
TGATGGACGAAGAAAGAAGAATGTGACAACGACGATGAAGAAGAATTTCTCAGGTTTGGGATCAGCCAATG
ATCCAAAGAACTTGTGCTGATTCAATTCCTTAGAAAAATTGTAATAATTAGAATTTAAACATTGAGAAAGCAT
TATTTCTCTCAAATTTGGTTGCCTGTTGCTAATTGATTATATGTATGCTGCTTCTTTATATTTGGTGGCTTCA
AATTCGAATCTTAGTTAGTTAGTTGCTTTATGCAGTGGTGAGAGCCCCATCAGAGCTTCCACCAACAGCCTT
TTGCTTCACACCTCTGTCAATGCTGAGTTCACGAATATGGCCTGGATGAAATATGTATACCGATTTGTTGAGG
TGGGGGAGAATTGTCTGGGTCGTGTTGGTTTGCATCAACTGGAGTTGTTTTCTGGTTTCTTGTAATATGATAT
CACCAGAATACGATCAGTTGATCTATCTTTTTCTGACTTGTGTTCCCTTGGTTCTTTGCTTCTGTGGCTTCCTGAG
TGTGCTAACTATTGTGTTCAGTCCACACAGCATGGCAGAAGAATTGAACTTACTACCTTGTACCAATGTATGAT
TGGTTTTTCTTTTCATGATGAATAGGAGGTGTTTTCTTGTTCTGGATTGAAATTGTACTGACATTACTAGAAAAAC
CATTGATCCCTTTTNAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_223 FJ014471|Camellia sinensis senescence-related protein mRNA, complete cds

ATTCAATTTCTCCACTCCCATCATCTCATACGTTCACTAATCCATCCATGGCCTCTTCAAATCAACAACCCACTT
CTTCATCGTCATCTTCCCTCTATCCCTCCCTCGACATGAAAGACCTCGCCGAAAATCTTCCCCGACGAAGACC
CCCCTGTTTCCGGTCACAAACACCCCGATTCTCCGAACGTTGACGATTACAGTGGGAAAGTTGCGAGGTTGA
TTGCGGCGGGATCGGGACGGGTGATTAAGGGGATTTTGTGGTGTGGGGATGTAAGTGTGGATCGATTGAATT
GGGGAAATGAGTTTATGAAGAAACGGATGGGGCCTCGTTCTGATGTAGAGATAAGTTCAGCTGCTATGAAGA
GTATAAAGAGTGTGAAGAAGATGACGAAGATGACGGAGAAAGTGGCGACCGGAATACTATCCGGGGTTGTG
AAAGTGACGGGATTCTTTACGAGTTCGATAGTGAAGTGAAGTGGGGAAGAAATTCTTTAGTCTTCTTCTG
GAGAAATTGTTCTTGCTTCATTGGATGGATTTAACAAGGTTTGTGATGCCGTTGAAGTAGCAGGAAAGAATGT
GATGTCAACGACGTCAGTTGTGACTACCGGACTTGTTTCAGAAAGATATGGAGAAGAAGCAGCGAAAGCAAC
AAATGAAGGGCTTGGTGCAGGAGGATGCGATAGGAACAGCATGGGCTGTGTTGAAGATAAGAAAGGCTT
TGAACCCAAAAAGTGCTTTCAAGCCAACTACTCTTGTAAGAGCAGCTGCTGCCATTCTAGTTCCTCAAGGTCT
TCTAAATAAATTCATTAGATTCTTTTCTTTTCTTTCAATTGTAATGTAATTGTCCCTAATTATCATCATGTGGTCT
GATGGAATTGTAATGCCCAATTTTCTGTAGTGGGTTTGTGTTTCTATTGTTTTGTTGATTATTTATTTTGTAT
ATCAACAATTTTGGATATAATACACCTGTTTTGATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTAAAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGCC
CCCATCCCCCAAAAGGGAGCCAAATAACCCCCCCCCGGGGCCCCTTTTTAAACCCCCGGGGGGGAAAAA
ACCCGGGGTTTCCCAAATTAACCCCTTGAAAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCC
CCCCCATCCCCCTTCCCAAAATTTGCCACCCAAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCCCCCAAAA
ACCCGGGGGGGGGGGGGGTTAACCCAAGGGGACCCCTAAATTTGGCAAGCCCCCAAGCCCCCTCTTTT
TTTTTTTCTTTCTTTTCCCCACGTTTGGCGGGTTTT

>trans_s_224 AF039709|Maackia amurensis 14-3-3 protein homolog mRNA, complete cds

GAGCCAGAACCACCAAAACGAAAAAACCCACACACTGTATAGCAAACCTAATTCTTTGGTCTCAGATCGCCC
ATGGCTTCCACTAAAGAACGCGACAACCTTCGTTTACATCGCTAAGCTCGCCGAGCAGGCCGAGCGTTATGATG
AAATGGTGGATGCAATGAAGAATGTTGCAAAGCTGGATGTCGAATTGACAGTAGAAGAAAGAACTTACTTT
CTGTTGGATACAAGAATGTGGTTGGTGACGGAGAGCCTCGTGGAGGATATTATCATCAATAGAGCAGAAAG
AAGAAGCTAAAGGAAATGAAGCAAATGCTAAACGCATCAAAGAATACAGACAAAAGGTTGAATCGGAGCTCT
CTGGTATTTGCAATGATATCATGATGGTGATTGACGAGCACCTGATTCCATCGGCTTCAGCTGGGGAATCAAC
AGTATTCTACTATAAGATGAAAGGAGATTATTATCGTTACCTTGCAAGATTTAAATCTGGTAATGAGAAGAAA
GATGCAGCTGATCAATCGATGAAAGCATATGAGGCTGCAACCAGCTCAGCCGAATCCGAGTTACCCCTACAC

ATCCTATCCGCTTGGGGTTGGCATTAAATTTCTCTGTCTTCTATTAGGGATAACTGGCTTGTGGTGGGAAGGGCC
TGTGACCTTGCAAAGCAAGCTTTTGATGAAGCCATTTCTGAACCTGACACCCTGAATGAAGAGTCATACAAAG
ATAGCACCTTGATCATGCAGCTTCTAGGGACAACCTTACATTATGGACTTCTGACATCACAGAAGATGGAGA
TGATGCCCCAAAAGATCAATGGAAGCTGCCAAGGCTCCCGGTGGTGACGATGCCGAGTGAAAGTGAAAAGCATC
TTAAGTGGCACAATCTTGACTCTGGAGATGATGGATGCGACTCGGATAAATCGCCCTTAGTGTTTAGCATAA
GGAGGGTTCATTTTATTATCTTCCCTTTGTTCTTCTTCCATTTTCTGATGCCCCATTATTGTGTGGTTTATTTT
TGAGTATGATGTCTGAACTTGTTTGGTCTCTAATCTTTGCATTCCCACAAAGCTAGCTTTCCTTCTCAGTGGAT
GGTCAATAGGTTGTAGGGGGGAACTACTTGAATTGTCAAATGTGTTTTTTATCCATCCTGTTTAGATGAAAAA
ATGCCATTGCCCAGATGGAGGGTTTCTATTGAAGCATTACTATATATACAATGTTTTATGGTCAACTCTTATAA
ATATTTCTTTAGTACACTCGGCAATTTTCTTCGGTTTTTCATCAAAATCAGGTCAGTATTCGGCACTGGTAGACT
ATAAAAAAAGTATGCATAACATTTTCATGCCATTAGAACCATTGACTAGTGAGTTGTCTCATCTTTATGCAAA
AAGGCCCACTCCAGGTTGACGTTGGAGCAATCGAGCTGTTGTCTCTACTAATAAATGCGAATTTGAGTACAGG
AAATTAGGAGAAGACTAGTAGATGGAGGAATG

>trans_s_225 BT021996|Arabidopsis thaliana At3g27230 gene, complete cds

AGAGGTGAGCTTCAATGGGTTCTGTTTCTTTGAAAATTGGAGATGGAACGGCAAGATTCAAGAGGGCAACTC
TTTGTTCTTCAGCTCTCAACATTCTCATGCTCATTCTGTGGTCACCACCAATCTTTTCGATTGTATGCCTTCAC
TTACTCTCCCAAAGATCGCGAAATCCATACGCTTGATCGAACACACAAGAACATTTTCGTTGATATCGGAGCAG
GTTTCTTTAATTCTTAGAGAGATCGATGTTTCTCAGAAGAAGCTTGCTCAGATGGAGAAGGAAATCTTGGCTA
TGAGAGCATCGATCTCTCAGATCTAATGTTGCAAATGAGCTCAAACCTTTTCTACAGCGTCATCCTCTTCTCT
TGGTAAAGATTGCAAAAGTGAATCACTGAAATGGTTGCATCTGTGGGGCATTTCATGTGAGAAATCTATGGA
TCTTTTGTGCGAGTATATGAATTACAAGGTTTCTGGACCTTGTCTGACGATTGGAGCCTTGCTCAGAAGCTGA
TTCTTCGTGGATGCGAGCCATTGCCTAGGCGGAGGTGTTTGGCTAAATCTGTGCCGAAGGTAGGTTTACAACC
TTTTCTATATCTCTATGGAAACCTGTTAGTGATAAGATTNGTTATGTGGAGTGGACTTGGATGTAAGAATTTT
CAGTGTTTGAATAGTAAGAAATTAGGGAGAGATTTGTGTTGGTTGCTTCGATTTGATTAATGGGTTTGAGAAT
CAGAGATTTGTTAAGGCTAGAGGGAAGAATGATTTTCCAATTGATGATGTTTTAGCTTTAAGTAGTGGTGGAA
TCAGGATAGGTTTCGATATTGGTGGAGGGTCTGGAACCTTTGCTGCTAGAATGGCTGAGAAAAATGTTACTGT
CATAACCTCTACTCCGAATATTGATGCTCCATTAGTGAATTCATTGCTGCAAGAGGATTGTTTCTCTCTTCTT
GAGTTTAGATCATAGATTCCCTTTCTATGACAATGTTTTTGATTTGGTTTCATGCTTCAAATGGATTGGATATTGG
TGGAAAGCCTGAAAAACTAGAGTTTCTTATGTTTCGATATCGATCGGATCTTAAGAGCAGGTGGATTGCTGTGG
CTGGATAAATTCTATTGTGCTAATGATGAGAAGAAAAAAGCTTTAACTCGCTTGATTGAGCGATTTGGATTCA
AAAACTGAAGTGGTCATTGGAGAGAAATCTGAATCAGGCAAATCAGAGGTTTATCTGTCTGCTGTTTTACAG
AAGCCTGTAAGAGTATGATGACGATAGCTAATCTTCAACAGAAAAGGAAAAAAGGTAAGAGAGAATCAATT
TTTCTCAATCCTTGATATAAAAAATATTGAGTGAGTTATGCTAATAGCATTATTTCAAGAGTAAAATAATGAA
TAGCATAAGTTGTTTATTCTGCTTACTATGATAATAGTTATGAAGAAGAATGTAGCATTAGATCAGTCACTTAG
ATGTTGTTCTGTTCTTNCATCTGTTAGT

>trans_s_226 XM_002306825|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

AGCCTCAACTTCACAACCAACCTATGTGGCCTTCGATTCCCTTTATAGTTCTCCAACCTACCATCTTCCCTACTTTT
GAACAGTCACCCACCAAATTTCTTCATTCCCTGCTAATCCCCACAAGGGTTTTTAAATTTTCTGCCCAATTCTTC
ATCTTCCTCAATTTTGCTCTCCACAAATGGCGGACAACGGAATATCTCTTGTCGGGAATGATGGTATTGAAGTT
GTAGATGAGAAAGGTTCCCCCGGCATCAAGGTACAAGCGATGCAATTCTCTTATGAAAGTGATTCTCCTCTTTT
TGTCGAGTTTAATCTCCAGATTGGCTCTGGATCTCGATGTCTTCTTGTGGCGCCAATGGATCTGGGAAGACG
ACTTTGCTGAAAATTTTGGCTGGAAAACATATGGTTGGAGGAAGAGATGTTGTCCAGGTTTTAAATGGTTTCAG

CTTTCATGACACTCAACTCGTATGTAGTGGTGACTTGGCCTACTTGGGAGGATCTTGGAGTAAAACCGTTAG
CTCTGCGGGAGAGGTTGCATTACAGGGAGATTTTTCTGCCGAGCATATGATATTTGGAGTTGAAGGGACGGA
TCCTGAAAGGAGAGAGAGGTTAATTGACCTCCTTGATATAGATCTCCGGTGGCGAATGCACAAGGTATCTGAT
GGGCAACGTCGTAGGGTGCAAATCTGCATGGGCCTGTTACATCCTTTCAAGGTTCTCTTATTAGATGAGGTCA
CGGTTGACCTTGATGTCGTCGCAAGGATGGACCTTCTGGACTTCTTGAAGGAAGAGTGTGATCAGAGGGGAG
CTACAATTGTATATGCAACTCACATATTTGATGGACTGGAGACATGGGCAACTCATCTAGCATATATTCAAGAT
GGTGAGCTAAGAAAGTCGGAGAAGTTATCCGCAGTTGAAGAGTTGAAGACTTGTGCAAATTTGCTATCTGTG
GTTGAGACTTGGCTGCGTGCTGAAACCAAACCTTGAGAAGAAGAAGAAGCAACCAATTCAACCTCCATCC
AACAATCAGAAGATTGTTTCTCCTTTTCGGTTCGTCTCCTTTCACGTCTTCCAGACATATGGCTTATTATCGTTAG
CTTTCGATTTAGTAGTATTATTTTGGGCATAGAATCTAAGAACTTATTATGATTGATTCTAGTTTGCCATTGTTTT
AGATCAAAAATTGATCTAAATTGTATGTGCGATGTAATGATAAAAGTAAGAAAAGTGGGGTTCACAAGCCCCTG
AGGGGTGGCCCTGGGGTATCTCGATTATACCAAGTTAGAGCTTAGAAGTCCTAAGTTCGAACTTTTGGGAAGT
TCAATATTTAAACTATTGATGTCTCTCCAGTTCAGGCCTTGGGAAGGGCATCAGTGTCTATCGAAAATAAGA
GCCAAAAGCTCTAACTCCTAAGTTATTATAAAGAACATTCACAAGTTTAGAATGCAAAATAGATTGTATTTTT
CTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_227 AY081332|Arabidopsis thaliana alcohol dehydrogenase (At5g42250) mRNA,
complete cds

AAAGAAAAAAGGAAGATGTAAGAAGAAGGAAGACGAAGAAGAGTTGGATGAAGTAGGAGAAAAATTTTGC
GGTATCTATGCTGCGAACACCTTCTCTACCTTTAAAAACACGTGGGATGCCATTAATTATGTTGCCATTGCC
ACCACCCTCATGCTTTCTTTAATAGGTTCTTAATCACTCTACTTATTTGTTTGTTTACACCTCTTTCTTTCTTCC
AATCCAACACGCCGGACCACTTCTCTCCCTCCACCCTCATGGAAGAAAACCTCGGCGCCGGTAGCTCAAATCCAC
CCTATTCGATGTAGAGCTGCTGTTTGCCGCAAGCCTGGTGAGCCACTAGTGATTGAGGAGATAATTGTGGCTC
CGCCAATGCCTCGTGAAGTTTGAATTCGGATAATATGCACCTTCTTTGTGTCAGAGTGATATCACCTTCTGGAAG
TTGAAGGATCCTCCGGGGATTGTTCTCTAGAATTCTGGGCCACGAAGCTTTCGGTGTAGTTGAGAGTGTAGGG
AAGGATGTCTATGAAGTTAAGGAAGGAGATTCTGTTATCCCAATTTTCATGCCTGACTGTGCGGAGTGTGCAG
ATTGCTTATCAAAGAAAAGCAATCTCTGTTCTAAATTCCCTTTCAAGATAGCTCCGGGGATGCCACGCTGTGGG
ACTAGCAGATTACGGATCTCAATGGAGAGGTTCTTCATCATCTTCTGTTCTGTCAAGTTTCAGTGAATACAC
AGTGGTAGATATTGCCAATATACTAAAAGTAGATCCTACAATACCTCAAACAGGGCATGCCTCCTTAGTTGTG
GGGTAGCAACAGGGGTTGGTGCGGCATGGAGAACAGCAAATGTGGAGAAGGGATCTACTGTTGCTATTTTTG
GACTGGGGTCCATAGTTTTAGCTGTTGCTGAAGGAGCAAGAATATGTGGAGCAAGCAGGATCATTGGGATA
GATGTCAACCCAGATAAATTTGAAGCTGCAAAAAAGTTTGGAGTCACTGAGTTCGTAAATTCTAGAAGCCTTG
GGGATAAATCATTGAGCGAGGTATGTAGGTTATCAATGAGGTTGAATGTGATTCAAGTTTCATTTCCCATCAA
ACCTGCAATCTTAGCAACCAATGATTCTTACCCTTCACTATTGAATTAGGCAATTTTTCTTGAGGAGTTTTACTG
GTAGGTAAGTTTTTAATTCAAATATTGTTTATTGCTGTCTTTATGAGGCCAGAGCTTTGTTTATTTAGGATACT
TGAAATTAAGTAAATAAGGAGAAGAAATATCTTTGTTGCTACCTTCTTAAAGTGGATGTGAAATGATATCCTTC
TTCATGAATGGTCAAGGTGTTTTGTGACACTTCTGTTTATAGTGGCCAATAACGGCTTCAAACTAGAACAAAT
TCGTAAGATATATATTGTTAAGGTTTTACCAGGATGTCAAGTGCTATCAATTACACATTTTGTGAATTTGATAC
AATGGGAAGGTTGATTTTCACTAA

>trans_s_228 NM_112358|Arabidopsis thaliana galactosyltransferase family protein (AT3G14960)
mRNA, complete cds

AAGTAGAAACCGGAGAGCGGCTATCAACTGAATCGGAGAGGAGGCTTCTTCGATTTCCGCCATGCCTTCATCG
CCCAAGCTTTTCACTCTCGCCATTCCCCCACTTCTCCATTCTACTCTAGCAGATCCTCCCTCTTCTTCTCTCCTT

TTTTCTTCTCATCGGAATTTCTGGCTTCATCTTCGTCCTCACTTTTTTCTTCACTCCTCATCTCCCTTACAATTGCTC
CAACCGTCAACCCAGAACCGTCAGAGTCGTTTGGGACAAAGCGCCTGATTCTGGTGCTTCTGTTACTACTGGT
AGTGATGCGAAGCGCCATAAAGTGATGGGCTTTGTTGGGATCCAACTGGGTTTTTCATCTGTTGGTCGCCGGC
GATCTTTGCGAAATACATGGTTGCCTTCTGATCGGGAAGGACTTCAACGTTTGGAAGAATCCACTGGCTTGCC
CTTCAGGTTTATAATTGGAAAGACAAGTAATAAGGCGAAAATGTTGGAACCAAAAAGGAGGTAGCAGAGTA
CGACGATTTTTTGTATTGGATATTGAAGAAGAGTATAGTAAGCTACCTTATAAACGCTAGCGTTCTTTAAAG
CTGCATATGCACTATATGATTCTGAATTTTACGTCAAAGCTGATGATGATATATATTTAAGGCCAGATCGCCTTT
CACTTCTACTTGCTAAAGAACGATCACACTCTCAAACCTTATATTGGCTGCATGAAAAAGGCCAGTTTTTCACA
GATCCGAAAGTGAAATGGTATGAGCCACTGTCCCCCTTGCTTGGAATGAGTACTTCTTTCATGCCTATGGTCC
AATATATATCCTTTGCGCTGATGTTGTTGCAAGCTTGGTTGCTCTTAAAAATAATAGTTTCCGGATGTTTCAGCA
ATGAGGATGTAACAATAGGTGCTTGGATGCTCGCTATGAATGTTAATCATGAGAATGAAAAAGCACTCTGTCA
ACCAGACTGTACGCCAACATCTATTGCAGTATGGGATATCCCCAAGTGTTCAGGACTTTGTAATCCAGAAAAG
AAACTGTTGGAACCTCACATAAAGAAAGCTGTACAAAGAGCCCACTTTACCGTCTGATGATGATTCATGAG
AATCCCCATTTCTCAAGGGAGTCGAGCAGCATCCACCAGGGGAGGTTCTGTGTAGTCCCAAGCATATAACGTC
AGTTTCACCCCTTTAATCTTCTAGTATGTATTTTGGAAAAGATATCTATATATTCTTCTGATTCTAGCGGGG
TGGCTTTAGAAATAGAGTTATAGAGCAATAGGAAATGAACAGTTAATTAGTTTTTGTGATCAAATTATTATGTC
ATTCCGAGTTCTCTCATTTTTTGGCATCTAAGGCCATTTACTTCTGCAGAGTTGTAAATTGAGCACACCTTCC
ACTACCTTTTCTTTCTTTATTATTATGGCTGGCTGGCTTACATGCTTCTGAGTTTAAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_229 AB490813|Solanum lycopersicum SLPP2C-1 mRNA for protein phosphatase 2C ABI2
homolog, complete cds

TTGATAAATCAAAATAGAATCAAAGTCATTATAGAGTTTCTTGATTCTACTACTCCTCCTTTCTGCTTTTCTCAA
CATTTCAAACCTGGTTGCTGATTATTGTCAAGAACGCATACACTTGGCACTAGCTGAAGAGATAAAAGGATTTA
AACAAAATGAAGAAAATGGAAACAATGGAGAAAACCTGGCAGCAGGATTGGGAGAGAACCTTCAACAATTGC
TTTCTTAGGGTTGATGATGAAATAGAAGGAAAAGTTGGTAGACCAGTCAGTGGAAGCAGTGAGATGTTTCC
GATACAAGCTTTGAACCTGTTGCCCCAGAACTGTTGGCTCTACGGCTGTTGTTGCCCTGGTCTGTTTCATCACA
CATCATAGTTGCGAACTGTGGTGATTCAAGAGCAGTTCTATGCCGTGGTAAAGAACCCATGGCTCTATCGGTC
GATCATAAACCAAATCGCGCAGATGAATATGCTAGAATTGAATCATCTGGAGGCAAGGTCATCCAGTGGAAC
GGACATCGAGTGTTCCGAGTTCTTGCAATGTCAAGATCCATTGGTGATAGGTATTTGAAGCCATGGATTATTC
CCGATCCAGAAGTCATGTTTCATCCCTCGTGCGAAAGAAGACGAATGTCTTATTTTAGCCAGTGATGGACTGTG
GGATGTGATGACAAATGAGGAAGTCTGTGAAGTAGCTCGAAGGCGAATTCTTCTTTGGCACAAGAAACACGG
GGCTTCATCTCTTGCCGATCGGGGCACAGGAGTTGACCCAGCTGCACAAGCTGCAGCAGATTACCTCTCAATG
CTTGCTCTCCAAAGGGAAGCAAAGACAACATCTCTGTGATTGTAGTGGAAGCTCAAAGGAAAGTTCA
AGACCAAATCTTGACAACACATAGTATCAAACCGAATTAACGTACCCTTCGAGCTCATAACTTCATACGTTGA
GAGACACGGTACGTTTTAGCAGTTTACAACCTCAGTCCATTCTACTCACGAATTTTAATTTGTTCCAAAATATA
GAAAAGTGTATATGTATCATAGAACTTTCCTCATGGAAATTCACCAGAGAAAAAGAAAGGAACAGCATCTGT
AATGAAGTTCTAATCTATGCTTTTGGACTTCACCATAACCAATACTTGATGATGCCATCTCGAACTACCATACCA
TATGTATAGGTAGAGAATTTTGGGATTTACTGATGCAGTTTCTTTGGATCTATTCTTCGGTTTCTTACAGCCAAG
TCTAAAGTTCTGGGGGATATAAGTAAGTTATTTGATTCTGCTTACATTATATAGTCTCTTCATTACTACTTTTCA
ATGGTAGGAATAGGATCGGAGAGCAACATTCCTTGTATTTTGGGTTGTGTTGTGTTGATTAGTTATATCTT
TTTCTTGGATCAACTCCAAATTCCTTCACAAGACGATGATATTGTAGATTTATTATATTCATTTTGTCTTC
GTATTTGCATATACTTATTGTATTT

>trans_s_230 NM_121355|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT5G13520) mRNA, complete cds

TGATCAAGGAAGGAGAGAAGTTATTTGGACGTTACGGTTGGGAGCGATTGATCTGCTTGTGTTACCTCCAAG
CTTTCCTTATGGTGGGATGGAAAATCCGAAGATGGTGTCTTGACACCGACAGTGATAAAGGGGGATTCTACA
GGGGCGCATGTGGTTGCTCATGAACTTGCTCATAGCTGGACTAATCTGGTCACTAACAAAAACAACGAACATT
TTTGGTTGAACGAGGGTTTTACAACCTATGCAGAAAGGAGAATCATTGAGGCTGTGCAAGGGAATGATGCAG
CTGCTCTCAATATAGGAATTGGTTGGAAGGGTTGGAAAGAGGATGTTGAAAAATTTAAGGATAATTTAGAATT
CACAAAGCTAAAGATGAAGCAAGAAGGCGTGGATCCAGATGATGTGTATTCTCAAATACCTTATGAGAAGGG
TTTTCAGTTTTCTATGGCGTATTGAACGCCAGGTGGGAAGGCCCGAATTTGATAGATTTCTGAAGGAATATATTT
TTACCTATAGCTTTAGGACAATAGATACAGAGACCTTTCTTGATTTCTTGATAAAAGAGCTCCCTGGAATAGAG
GAAAAAATAGATTTGGAACCTCTGGATTGAAGGCACTGGTATCCCTCCAGATGCTCATGAACCAGTTTCTTATTT
GTACACGAAGATCCTATCGCTAGCCAACGACTTTAAGCTTGGTAAATGCCCAAGGAAGAAGAACTGCTGAT
TGGGGAGGCCAGGAATGGGAGCTGTACTTGGAGAATCTGCCGAAATCCATTGAAGTCTCACAGATTCAAGCG
CTGGATGCGCGGTATAGATTCTCAGAATCGAAAAATTATGATATCAAAGTTGCATTTCTCAACTAGCTATTTCT
GTCGAAGTACCGAGATTGCTATGCTGAGGTTGAGAAACTTTGAAGGAAGTTGGGAGAATGAAGTACCTTCG
CACATTGTACGCTGCTCTTACACAAGGCCCTGGGATGGAAGAAGAGAAGATTTTGCCAAATAGGATATATTCT
GAAGCTCGTGAGAGTTATCATCCGATCGCCCAAAGGGTCGTCGAGTCCATGTTTTCCAAGAACTTATAAAACA
CTTTCCTTCTCATCGACCCGTGGGGTTCGCAGTTCGAATCAAAGCTTGCTTGGATGTCCAGCTCTTGATTG
GGATACAGGATCAATATTCTCAAAGAATGAAGCATACTACCAATGGAGAAAACCTTTTCTGTAAATGGACAAA
ATCATCATATGAAATTCAACAACTTTTTGAAAGGCATTGGACAAAAGTTGAACAAAGATATATAGGTAAGAGC
TACTTGAAACCATACTCAGACATAACAAGATCTGGCTGCCCTTTTCCAGTTGCAATAATAAGTTCATTCTCAA
ACTGAGGTAAAAGGGTACGGTAAGAAGCATGCTANCATCTAAAAACCACTTCAATTGGTCTTTCATTCCGT
TTTAGTGGGGAATATAGGAGCTTATATCACTTC

>trans_s_231 HQ449715|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc_SSR_6 sequence

ATTCACGTAAATTAGCCAAAATAGGAAGCTGTGTTTCCAAGCCCGCTCCTTCACGGGGAGCCTCGTCGGTGGT
GCAGAGGCTCTCTCAAAATCAACATCACTTACTCCAATCTCAATCTCAATCCCAACCACCACCATCACAACCCCC
CCTCGCCGCCGTATCCTTATTGGAGTCACAGAATCCGTCAAGATGAAGAGCCTCTCAAGCCCAAGCCAAGG
ACTCCTGTGATGTTGTTGTCGACTCGTGATCTTCTTATCTATACAGACCGGAACCCTGATACGAAGGAGAC
CAAACGGGAGGAAAAGATGTTAGAGTTAAGTAAAAACGTTAGGGAGTTGAAATCAATACTTTATGGAAATAG
TGAATCTGAACCAAGTTGCAGAAGCATGTGCACAGCTGACCCAGGAGTTTTTTCAGAGAGAATACGCTTCGGCTT
CTCATTAATGCCTTCTAAATTGAACCTGGAGACACGGAAAGATGCTACTCAAGTAGTTGCAAATCTACAGA
GGCAACAGGTTCAAGTCCAGATTGATTGCATCTGATTATTTGGAAGCAAACATTGATCTGATGGATACCTTAGT
AGCAGGCTATGAAAATACAGAGATGGCTTTACACTATGGTGCCATGCTGCGGGAATGCATACGTCACCAAAG
TGTTGCCAAGTATGTTTTGGAATCACAGCACATGAAGAAGTTTTTTGATTATATTCAACTACCAAATTTTGACAT
TGCTGCAGATGCTGCCGCAACCTTTAAGGAATTATTGACGAGGCATAAATCTACTGTAGCTGAATTTCTTTCCA
AGAATTATGACTGGTTTTTCGCGGAGTACAATTCCAAGTTACTGGAGTCAACTAATTACATTACAAGACGGCA
GGCAGTGAAGCTGTTGGGAGATATACTTCTGGATAGGTCAAATTCAGCTGTGATGACACGCTATGTGAGTTCT
AGGGAAAATTTGAGAATCCTCATGAATCTTCTCAGGGAATCGAGCAAGAGCATACAGCTAGAAGCATTTTCATG
TTTTTAAGCTTTTCGTTGCAAATCAAACAAGCCTGCCGACATAGTTGGCATTCTCGTCGCAAACCGAAGCAAG
CTTCTAAGGCTGTTTGCTGATTTCAAACTGATAAAGAGGATGAACAGTTTCGAGGCTGACAAAGCTCATGTTG
TTAGAGAAAATTGCTGCCCTTGAACCCAAAGGACCATGAATTCCTTATATGAATAGTGTTGTATTTTTTTGTATTCT
CCACTTTATCTGTCCAATTTGGATGTCAATTATATAGCTCAGTCAGCTCTCCAGATGATGGCTTTGATTAAATGC
TTTATAACGCTAATAATGGGCTTTTTTTTTTCAAATATATATATATATATTTGCCTTTTCCATGTATTCTAATGGTT

TCAGCATGTATATTAAGACACTTGGTTGTGCACGGTATATAAATAAAGTTTTATTGTTTTAGATGTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_232 XM_002330454|Populus trichocarpa arginine methyltransferase (PRMT901),
mRNA

ACTTTAAAGCACTTCAAAAACCTCGTTCGCCGCCGACTCTCTTAAGCTCTACACCACCAAAAGACTACTTCCCG
AAAACCCTTCATCACAAAAAACCTAATCCACACTTCTACTCTCAACCACTCTATAATGGGTCGCCGAAAA
CTGACAATCACACTCCGACCACCCTCAACGGCTTGCCTCAGCCCCAGGGTTCGAAGATTGCTTTGAAGACGA
CGACGACGAAGCTCCGGTTGAAGAAACCACTGAAAGCTCCAACCTCGACGAATCCATGTGCGACGCCGCCGA
CGACTCAAACAGAGTCATTGAAGACACCGCGTGTGAACCCGCCAGTCCTTCAATGATAAAGATGATAAAACC
AGCGCTGATTATTACTTCGACTCCTACTCTCATTTCCGGTATTCACGAAGAAATGTTGAAGGATACAGTTAGAAC
TAAGACTTATCAAAATGTAATTTATCAAAATAAGTTTTATTTAAAAATAAAGTAGTTCTTGATGTGGGAGCAG
GAACTGGGATTTTGTCACTCTTTGTGCCAAGGCAGGAGCTGCCCATGTTTATGCTGTAGAGTGCTCCCATATG
GCCGATATGGCTAAAGAGATTGTTGAAACAAATGGATTTTCTAATGTTATAACCGTTTTGAAAGGGAAGGTTG
AAGAAATCGAACTTCCCGTCTCCAAAGTAGACATAATTATTTCAGAATGGATGGGATACTTCTTGTGTTTGAG
AATATGTTAAATACAGTCCTATATGCTCGTGATAAGTGGCTTGTTGATGATGGTATTGTATTACCAGACAAAGC
TTCTCTACACTTAACAGCTATTGAGGACGCAGATTATAAAGAAGACAAGATTGAGTTTTGGAATAGCGTATAT
GGGGTCGACATGAGCTGCATCAAAAAGCAAGCCTTGGTGGAGCCTCTGGTGGATACTGTTGACCAGAATCAA
ATTGTTACAACTGTCACTACTCAAGACAATGGATATATCGAAAATGGCACCTGGTGTATGCTTCCTTTACTGC
CCATTCAAGCTTGTAGCAGAACGTGATGATTACATTCATGCTCTTGTAGCCTACTTTGATGTTTCTTTCACCAA
ATGCCATAAGTTGATGGGATTCTCGACTGGTCCAAGATCAAGGTCTACACATTGGAAGCAAACAGTTCTATAC
TTGGAAGACGTCATCACAGTTTGTGAGGGCGAGTCTATAACTGGGAGTTTGAACGTTGCTCCAAACAAGAAG
AATCCTCGTGATATTGATATCGTGCTCAAACTCGTTCAATGGACGTGATCCACAATCTCAAAGACTCAACA
TTACAAGATGCGTTGATTCTTCTTAACATTGGCTTGCTCCTTCGAACGAAATCAATGTATTGAGTGTTGCTACA
TTCTTTTTAAAGGGTGAAAGTATCGACATGCTTGATTCTTTTTGCCCATCTGAATGCTTTTAATCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_233 NM_001054118|Oryza sativa Japonica Group Os02g0649400 (Os02g0649400)
mRNA, complete cds

ATTCCGATTCCTTCTATTCCCCACCAATGGCGAGAGCCTTCTTAGGCTCCACGTCTTCTTCCCCACTAATC
GCTTTACGCATCTCTTCTTCACCCCATCATTTTTCTTAACCAATCAACGCCCCCGTTCCCTTCGTCCCACCACCG
TGTCCGTCGTCGCTATGGCGGAGGTTCCGTCGGAGAAGCGCATTAAAGCCCCACCCATCTCTCGAGGTCATCGG
TGGAGGCTGCGATCAGTTTCTCCAGCTTTTAAGGACTTGGATCTCCCCTATAAGCCTTTCCTGTAATTGGGT
CGAATCGCCATTTGGAGACCATTTTGTCTCCTTTTTAGGACTTGTCCAGTGTTAACCTCCACCGGGAGTGTC
TCCGTGCGGCAGATAATGGGACCGTTGCTCTCGATTGGGTCACCGGTGACGATCTCCGTTTGCCTCTTGATTCT
CCTGTTCTTATTCTTCTGCCTGGTTTAACAGGAGGGAGTCAGGATTCATATGTAAGACACATGTTGGTTAGAGC
TAGAGATCGTGGGTGGAGGGTTGTGGTTTTCAACAGCCGTGGATGTGGGAACAGCCCTGTTACCACTCCTCA
GTTCTATTCGGCTTCATTTTTAGGAGATATGCGTGAAGTAGTTGCGCATGTTACTAAAAGATATCCCAAGCCTA
ATGTGTATGCTGTTGGCTGGTCACTTGGTGGTAACATTCTTGTTAATTATTTGGGACAGGATTCCTGACCTGT
CCATTGTCTGGTGTGTGCTTTATGTAATCCATTGATTTAATAGTTGCAGATGAGGACTTTCGCAAGGGCTT
CAACAACGTCTATGATAAATCTCTGGCTAGAGCGTTACGTAAAATTTCAACAAGCATGCTGCTCTTCACTG
ATATGCCTAGTGAATTCAATATACGCTTGGCTGCCAAAGCTAGAACTGTTAGAGACTATGATGATGCCTTAAC
ACGCGTTTTCATTTGGTTTCAACACTGTGGATGAATACTACTCAAAGTCTAGCAGTTCAAAGTTCATAAAAGATG
TCAAATTCCTTTGCTTTGTATCCAGGCAGCAATCATCCAATTGCTCCAAACAGAGGAATCCCCGAGAAGAT

ATTAAGGAAAATCCAACTGTATGTTAATAGTAACACCGAGAGGTGGGCATCTAGGGTGGGTTGCAGGGCCC
GGCGCTCCCCTTGGTTTTCCATGGACCGATCCTTTCGTGATCGATTTCCTCATGTATTTAGAAAACCAAAAATCC
AAAGCCTCAGCTTCTTCTACAGATTTAACAACGGCAGAGGTAATGACATAGCCATTGATGGTGATGATATCTA
CGAGCACGAGTAGAAACATCGAAGATAGTCGTTTCGCTATCCCTAGCTAGTAGTTGATTATTTGTGAGATGATT
AAAACATAATGTCATGTATATAGTTTATTTAAAAGTGTCAAATGCAGGTCTCAATCTAAATCAAAGTTATTTGTT
TCTGTATTTCTTTATG

>trans_s_234 AF370608|Arabidopsis thaliana protein phosphatase type 2C-like protein (F21H2.4)
mRNA, complete cds

AAACAAAATCAACAACAAGAAGCTGAAGGCTGAAGCAGCGCCGCACACAAGGAGCAGCAAAACCGAACCCA
ACAGTTTTTTCTTTTTCTGCTTTAATTTGATCATTCAAGAGGAAATTCAGATTCTTAAAGGGGTTTAGGGTTGT
GTTTTAAGGGGTTTCTTTCTTTGTTGTTCTTCGTTTGATTGTTGATTTTTGGGAATTTGATGGTGAGTTTGCT
GAATTTTGGAAGTGGGTTTGATTGCAATTTTCTTTTGATTGGATTATTGGAGGGGATAGATGTTGAGAAAT
TAGCAGAAGGGGATTTGGAATTTGACTTATGGATAAGCTGTGCTGTTTTCATGCTTCATATTCTGGGATTAGA
TCTGCGTTGAATTACGGTAAAGGAAGGAGCCATGAGGGGATAATCAAGTATGGGTTCTGCCTGGTTAAAGGG
AAAGCTAATCATCCCATGGAAGATTACCATGTTGCTAAGTTTGTTCAAGTTCAAGAACATGAATTGGGGCTCTT
TGCTATTTATGATGGCCATTTAGGAGAAAGTGTTCTGCCTATTTACAAAAGCATTTGTTTTCTAATATCTTGAA
AGAGGAAGAGTTTTGGGTTGATCCCAACAGCTCCATCTCAAAAGCATATGAGAAGACGGATCAGGCGATTCT
ATCCACAGCTCAGACTTGGGTCGTGGTGGATCAACTGCTGTTACTGCTATTTTGATTAATCGTCAAAGGCTAT
GGGTGGCCAATGTTGGAGATTACGTGCAGTTCTTTCTAGAGGGGGTGAAGCTGTACAGATGACCATCGATC
ATGAGCCGAATACAAATACGGAACGACGAACCATTGAGAATAAAGGTGGCTTTGTTTCAAACATGCCAGGAG
ACGTACCTCGAGTAAACGGCCAGTTAGCAGTTTCACGAGCATTGGAGACAAAAGTCTAAATCTCACTTGCG
ATCTGATCCTGATATACGTGATATTAATGTAGATGCCAACACGGACATATTAATTCTTGCCAGCGATGGTCTAT
GGAAGGTCATGGCCAACCAAGAAGCAGTCGATATAGCACGAAGAATTAAGACCCGCTGAAGGCTGCTAAG
CAGTTAATAACTGACGCTTTGGAGAAAGAGAGTAAAGATGACATTTTCATGCATTGTGGTTAGATTTAGGTGAT
TTTAGCCTCTAAATTTTTTTTCTCCCTCCAGATTCAGTATATAACCCCCAAATAAAGATTTTCTTTTATGCA
ATGGAAATTTAAGTATTAGGCCAACAAAGTATATACACACGTTTCGGGTAATCCCTTGCGAAGGCTACGATAT
TTGTAGCCTGAAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAGTGACGAATACCGTATGTGTAAATTTGATTAGGCTG
ATTATGTTTATATTTTTGATATGTTTTTTTCTCTTTTTTTACTGAAGTTGACTTTTGAGTTTTGGGTGTATAA
TATGATCTTATTAATATGTAAGGACT

>trans_s_235 FJ896817|Cucumis melo branched chain amino acid transaminase (BCAT1) mRNA,
partial cds

ATATTTCTCCCAACACAACAACCACTTTCTCTTCACATTTTTTGCTAATAAAATTGGCAATACAAAGAGATCAA
TATTAATCAGCCACAACATGATTCTCAGAAGATTCTTCTCCTCCTTTTTCGCCTGTTTCTTCATCATCATCTTCT
TCTTCTTCAAAGCTTGAGGAGGTTGTCATCGCGATGGGTTTAGGGCAGTATCTTCGATGCCGGAGCCTTGCC
AATCATCACCTCTCAGTGATGATGAGAGCTGTGATTTGACTGGGATAGTCTTGATTGTTGGGCTAATGCCGAC
AGATTATATGTATATCATGAAATGCTCTAAAGATGGGAAATTTGAACGAGGTCAAATGAGCCGTTATGGGAAC
ATTGAGTTAAGCCCTTCTGCTGGGGTTCTAAATTATGGACAGGGATTGTTTGAAGGCCTAAAGCTTATAGGA
AAAAAGACGGAGGCTTTCGTCTATTTTCGTCCAGACCAAAATGCTCTTCGTATGATGACCGGTGCTGAACGGAT
GTGTATGCCCTCACCTCCATCGAACAGTTTGTGATGCTGTGAAGCAAATTACCATGCGAATAGGCGTTGG
GTCCCTCCGCTGGGGAAAGGATCACTTTACATAAGGCCTTTGCTCATTGGAAGTGGTCTGTTCTTGGCTTGGC
TCCTGCGCCCGAGTATACTTTTCTAATTTATGCTTCCCCTGTTGCGCAACTATTTTAAGGAAGGTTTCAACCTT
GAACCTATACGTTGAGAATGAATTCGTTTCGTGCATCTCGTGGTGGAAGTGGAGGTGTGAAAACCATTTCAAAT

TATGCTCCGGTCTTAAAAGCTATCACCCGAGCAAAAAGCCGAGGGTTTTCTGACGTGTTATACCTTGATTCAGT
GAATAAGAGAGATTTGGAAGAAGTTTCTTCTTCAATATTTTCCTTGTAAGGGCAATGTTATTTCAACTCCTG
CTACAAATGGAACAATTTCTCCAGGAGTAACCCGGAAGCATCATTGAAATTGCCCGTGATCGAGGTTACGA
GGTCGAGGAACGGGCCATTAACATGGAAGAACTGTTGACGCTCATGAAGTTTTCTGCACCGGAACTGCTGTT
GGTGTGGCCCCAGTTGGCAGCATCACATGTATGGATAGAAGGATCGAATACCAAACAGGTGCTGACACAACA
TGCCAAGAATTATATTCAACTCTTGTTGGGATTCAAACCTGGAACCATTGAGGATAAGATGGGGTGGACTGTTG
AGATCTCTTGAGTTTTTTCATCTGTCCACCGACATGAACAGTAAATTGCAAGTCCGTTCTCTGTGTCGGGTTTTAT
CAGTAAATGTCTCAAAGTTTGTTATTTGTTTTACTTTTCATAAGTCCGTAGCTATAATTAAGCAGCAAGCCTT
TAAGTCCAATACAAGTAATGAGGATCAAGAGCTGGAGATTCGTATGAAAGTAAATAAAATATTTTGATATATA
AATTGTGATAAAATGTTTG

>trans_s_236 AB515349|Lysichiton camtschaticensis LcUCP mRNA for uncoupling protein,
complete cds

AACGACGAGACCCATTATTCTTCTTCTTCTATTCTTTGTTCTATTTTGATTTTTGTTGCTTTTCTCTCTGAATTCC
TCCTGATCTTCTTCTCTCCGGTTCAGTCTAGTGGGTTTTCTTTCTTTTCCCCTTTGGGTATTCCGGTTTAGCCATG
GTTGCCGATTCGAAAGGCAAATCGGACATCTCATTTGCCGGCACTTTCGCCAGCAGTGCTTTTGCTGCTTGTTT
CGCTGAGATATGCACCATTCATTAGACACTGCCAAGGTTAGGCTTCAGCTGCAAAGAAAGCGGTTGCTGGT
GATGTCTTACCAAAATATAGGGGCATGCTGGGCACAGTTGCAACCATAGCCAGAGAAGAAGGTTTGGCGTCC
TTGTGGAAAGGCATTGTTCTGGATTGCATCGTCAATGCTTATTTGGAGGCTTAAGGATTGGGATGTATGAGC
CTGTCAAAAACCTTTATGTGGGCAGCGACTTTGTTGGTGATGTTCTTTATCGAAGAAGATTCTTGCTGCACTG
ACAACCTGGTGCTTTAGGGATCACAATAGCTAATCCAACCTGATCTTGTAAGTTTCGACTTCAAGCGGAAGGAA
AATTACCTCCTGGTGCGCCTAGGCGTTATTCTGGGGCATTGAATGCTTATTCAACCATTGTGAGACAGGAAGG
AGTTGGTGCTCTATGGACTGGCATCGGACCAATATAGCAAGAAATGCGATTATAAATGCTGCAGAACTAGC
AAGCTACGATCAAGTGAAACAGACAATTTTGAAAATTCAGGTTTCACGGATAATGTTGTTACTCATCTTCTTG
CTGGTCTTGAGCTGGGTTTTTTGCCGTATGCATTGCCTCCCCGGTCGACGTGGTGAAGTCAAGAATGAGGGG
AGATTCAACTTACAAAAGCACACTTGATTGTTTCATCAAGACTTTAAGAAACGATGGACCTCTAGCATTTTATA
AGGGCTTTATCCCAATTTTGGTCGGCTGGGATCATGGAATGTGATCATGTTCTTAACCTCTAGAACAGGCCAA
GAAGTTTGTGAGAAATATAGAATCTTCATCTTGAGCTATGGGGGAAGTGTGTGCAAGCAGGATTGCTCCCTT
TTCAAACCATTGCTAAGAGAATAAAAAGCACCCACAGGAATAACTTTTACTTTCTGTGCTGATTCCATTGATG
ACATTAAATATTCTGCCCCGGCCATGTGAGAGAATAAGATGAAAGTAATCCTCAGACCGATGGTTCTTTCTCAA
TGTTGCCATTCATTTTCTGTACTACGTGCAAAGAATTCAATTCTGCTAATCAGAGTGACAATGGTCTAGACTAC
AATCTTCTTGATTTTAGTCCATTTGAAACATCTTTAAACGAAATTTTTGAAGTTCCAGAGATATTTGGCCTTTT
TATCTATTTACCTTCAGTTAGGAAGCTCAAATTTACTTACTTAATATATTGATTGTTTGGCCTAGTGTGACCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_237 NM_125988|Arabidopsis thaliana BSD domain-containing protein (AT5G65910)
mRNA, complete cds

AAAGAGGATTTGTCTGAGCTCAAGAATACCCTAACCCGCCAATTCTGGGGCGTTGCCTTTTCTCGCCCCCTCC
GCCTGAGCATTCTGCTTCGATTCTCAACTCTCTGATCTAAAACCTAATGAACCGATTGATAAGTCAACAACCG
ACAATCCATCTGATTCTAAATTGTCTGAAGAAGATCTAATTGCTGGAATTCGCAGTGATTTTCGGGAAATTAGC
GGGAAGTTTAAGACCGGGATCTCGAAGCTTTCCAACCAAGACCGTTTCTGATATACCAAGATTGCTTCCA
ATTTTCTTCAGTTTGGATCAGAGGATTCTTTGGAGAATTATGATGTGGGGAACGCGGTTGGTGTGACAGAGG
AGGTTTTGATATTTGTGAGGAATATTGTGCAGCATCTGAGACCTGGCTGGACTTTCCTCTTCTTATGACGAC
GATTCCGACGATCTTGAGTTATCTGATGCCAGCAAGAACATGCTCTAGCAGTTGAGCATCTGTTCCAAGATT

>trans_s_238 BT030025|Arabidopsis thaliana At3g62260 mRNA, complete cds

>trans_s_239 NM_001050182|Oryza sativa Japonica Group Os01g0631500 (Os01g0631500)
mRNA, complete cds

GATTCGTTGGTGGATTGATTGGTGTTGTTGTGCTTGGTGTTGACCTTGATGCTGCGTAGTGGCAATTTCCGTTG
CTGGGGTCGGTGGTGGTGAGTTGCGCCGTTCCCCAAACACGCAGCTTGAGGTGCTGGATTCTTCTGGTAGT
AGTCGTTAAAGGCATAAGAAGCGTGGTCTTTCATGGTGTTGGGCTCAAAGCAACTACCTCCCGATTGAATCGC
CGAGCAATCCGCGCCTCCATAGCCACAAGCATAATCTAGAGCTACCTGCAAAGCGTTTGGGGAAGCATTTGG

GCTTGCTATGCACCAACTTCCACCACCTGTGGTTGTTGGGGTTGTCGGGGTTATGGTTGGTCCGGTAGGGTTT
GTTTGTGCAGGCGGATTAACAATTGGCGTCTGGGTCGGAGTTGTGCCACCTGGGGTGGTTGGATCTCACAAT
GGGTATTGTGTCAGTTGATTGCTAGATGTTGAAGTTGAAAAGTAGGGTATTTGTTCTCTTCATTTTGTAGAA
CATAGTCTTCTTGGTTTGCTTCAAAGAACGGTCTCTGTGCAATACTTGAACCTAGACTGAGGAAAACCAACAAT
GAAAGTAATGCAAAATGGAGCTGAATACAGGGACCAACGATTTGTGAAAATCAGAGATGTGTCAAATGTGTT
TGTGTAAAGAAGAATTACCCTTTTTGGCGGCAAGCAATATATACAAGTAGCTGGACGACAGAATCTAAGCTTT
CTTGGATCATCAAGAGTCAGAAAGAAGGGGAGGAGAATATGAGGAAACTTGAGAGAGGAGGCATTGTATAT
TTGAATAGTTGGGAAGTGCAAGCAAGGGGAGTTTTAAAAAATGGAAAAGGTATATGGAGAAGGAAAGGCA
AAATATATCTGCTATGAACTCAAATCTGATAGGTGTTAGAATAAGGTATAAGGAGAAGTACTGATTCTGCAGT
TTTCGTGTGGTGGCATTTCCTCTCTTTAGAGCTTCTCTTTTACTGTTTTATGGGTACTGAATCTGAAAGTT
AAAGGTAGGTTTAGGCTATGGTTTATAGATTTGTATGCACAAGTTGCATCTTCTAGTTTGTGATCAAGAATATT
GTCCCCCGGAGAATCTGTTAAGTCCCAAAGCTCACTGCTCTGCTACTTAGGAAGCAAAACAGGAATCAAAAC
AGGAATCAAATCATTCTCTCTTAATGCATCATCTGTAGAAGCATTGATTCTTCTTTCACAAACAAGCCCAC
TAATCCACTCACTGATAGATACTAATTATATTACCAGTAGTGCAGCAGACAAATGCAAAAATGCCAAAATGA
TTCGGCTTAGTGGTATTAGCATGATCTCTATCCCCAGAGTTCGGAAAATCCCTGCTCTGGTGTCAACAAGAA
AACAATTCTCAGCAGACTATTTGCCATATTTGGGGTCTTTAATTTTAGTGTATTTTATTCATGTAAACATTGTA
GCTATTCTGTGACTGGTCAGAACTTTT

>trans_s_240 AF512545|X Citrofortunella mitis S-adenosylmethionine decarboxylase (SAMDC1)
mRNA, complete cds

TCTTTTTTCTTCACTACTCTCTACTATCCTCGTTCTCTCGTTCAATCTCTCGACATCATTAGCTTCCTTTAAGAAA
AGATGACGTGTCCAACCTCTGCTATTGGATTGAAGGCTACGAAAAGAGGCTTGAAGTATCATTCTTCGAGCC
AAGCGTTTTTGTGACCCTAGGGGCTTGGGTCTCCGTGCTCTGTCAAAGGCACAATTGGATGAAATTCTTACAT
TAGCTGAGTGCACAATTGTCGACTCTTGTCAAATGACTATCTTGATTCTGATGTCCTTTCAGAGTCGAGCCTCT
TTGTGTACCCATACAAGTTTGTCAATCAAAACTTGCGGCACTACTAAGCTGCTTCTCTCAATCCCGGCTCTGCTGA
AGTTAGCTGATTCTCTGTCTCTTACTGTGAAGTCTGTGAGGTACACTCGCGGCAGCTTTATCTTTCCTGGTGCCC
AGTCTTTTCCCATCGCAGCTTCTCTGAGGAAGTTGCTGTCTCGATGGCTAGGGATTCAAGCTTGGCCTCCAC
GGTCTGCTTACGTGATGGGAAGTCCTGATGAAACGAGGAAATGGCACGTTTACTCTGCCTGTGCCAACATGG
GGAATCAAAGCAATAACCCGTTTATACCCTGGAAATGTGCATGACTGGTTTAGACAAGGAGAAGGCGTCTG
TCTTCTCAGAACAGATGCAAGTTCTGCTGCTGCAATGACTGAAAACCTCCGGTATTAGGAAAATTCTCCCGAAA
TCTGAAATATGTGACTTTGAGTTGACCCTTGTTGTTATTCCATGAATGCCATTGAAGGAGATGCTGAGTCTAC
AATCCATGTTACTCCAGAAGATGGGTTTAGTTATGCAAGCTTTGAAGCAGCTGGTTATGACTTCGATGACATG
AATCTGTCTAAGTTGATTGTGAGGGTGTGGCATGCTTCAGCCTTCTGATTTTCTGTTGCCCTCCATTCAGAC
GTCGTTGGTGAGAATCTGAAGACTTGCTCTGCCTGGAATTGAAGGGGTACGAGGGTGGTGAGAAAAGCTGT
GAAATGCTGGGGGAAAATGGAACCGTCATCTACCAGAGCTTTATGAAGACTGGAGGAGATTATGCCTCATCT
CCGAGGTCGACCCTTTTGAATGTTGGAGTGAGGACGAGAAGGACGAGGAAGTTGGGAAGTATTAGAACTTT
CATCAACTTTTACTCTAGCTCTTTTTATCTTACTAGTAATGAATAAACGAAGAAGTATCTTGGGGGGGGTCT
TGTTTAAGCTGCCTTGTATATGCAGCATATTAAGAGTCTGTGTTCAATCATTAGTGTCTTGTCTTTTCTTTTCTT
CATTGTTGGGTTTGTATTTCACTCTGCAATAATTCCCTCGTGGGAAAGCTTGTGCTGGAACCTCTGCCCGCT
GTTGGGGTGCTTTTGCATCATATTATGTTATGATGAACTTATCAATCATATTTTCTATTTTATAGCAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_241 NM_001054679|Oryza sativa Japonica Group Os02g0753200 (Os02g0753200)
mRNA, complete cds

AATCCGCCATGAGTCTGGCACTTCTCCAAGGCTATTCTTCCGCCGAAGAAGAAGCTGAACACAACCTCTGTCTTC
AACCACACCTCTTCCGACGATGACGACGAAGATCTTGCCGCCGCCGCCCTCCGCCGCCTCTACGGTTACCGT
CAATCTTTCCATTTCGTGACAAGTCACTTTTCGAACTTCCGACGCCCTCCTCTCAGCCCCGGCCTACCTTCTGCTTTC
GACGCCTTTTCCGAAGTTTCAGGACCGCCCGAGTTTCTGAATAATTTCGGTTGAGGAGTATGCTGCACCGAGAG
ATGCCGATCAGCCGCGAGGGGGACATGGGGGCCGTAGGAATCGTAAGGAGAAGAAAGATTGCGTACTGCT
GCTGTATTGGAGGCAAAAGCTCAATTAGTAGGGATTCATGAGCGAGTGAGGAGTGACGTTGAAAGTAATCAT
GCATCAAATTCATCCATTTCAAATGCAACAGCGGAAGGCAAGCGCGTGGCAACCGCAGCAAATCCAAATGCT
GAAGATGCTGCAGAACTACTTAGAATGTGCTTGCAATTGTGGCATTCCAAAGACCTTTTCAAATGCACGAGGGA
TGTTTTGCCCTCTATGTGGCGATCGTCTCCTGAGCCGGACAGTGAGACCAAAAAGAAGGGATCTACCGTTAA
AGATAAGGAAAAGATAAAGCGAATGAGGGGACAATCATCTCATGCTACCTGGAAGAGTGAAACAGAGATGC
AGCTGAGACAACAGTTTGATTAATAAATTTTCATATTTAATGTCTATGAGCTCTTGGAGACTTGTTATAGATAGT
GTACCGTGATCATTCTACTAATCTGTGATATTAATCATGTAAGGTTTATGTAGTTGATACTCAGACATTTTGT
TTGGTAAACCAAAATGTTACCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAGGGCCCCCCCCGGCCCTCGAAAAGTTTATCAATCCCCCAACCTCAGGGGGGGGGCCCCGGCCCCAA
TCCCCCTATTTTGAGTCGAATTACCCGGGCTCACGGGGCGTTTTTTTAAACATCGGGATGGGAAAAACCCTG
GCTTTCCTCAATTTAATCCCTTTGGAAAAACCCCCCTTCCCCCGCTGGGGAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCC
AATCCCCCTTCCCAACATTTGCCACCCCTGAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGAACCGCCCCATTAACCGCGG
GGGGGGGGGGGTTACCCCCAGGGGGCCCCCTATTTTTCAGCCCCCTACCCCCGTTCTTTTCTTTTTTTC
CCTTCTTTTTTCCCCCGTTCCCCGGTTTTCCCCTAAATTTTAATTTGGGGGCCCCCTTAGGGTTCCAATTTA
TTGTTTTACGGCCCCCGCCCCAAAAA

>trans_s_242 XM_002863756|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

ACATCCACAAAATTTCTCTCTCAGCTGGGGTTCATAATTTCCGATTGGGGGCGAAGATGATCGAGGTCGTGCT
CAACGATCGTCTAGGAAAGAAGGTACGTGTGAAGTGCAACGAGGACGATACGATCGGAGACTTGAAGAAGC
TTGTAGCCGCTCAGACCGGAACCCGGGCTGAGAAAATCAGGATCCAGAAAGTGGTATAACATCTATAAGGATC
ATATCACTCTTAAGGATTACGAGATTCATGACGGCATGGGGCTGGAACCTCTATTACAATTGATTACGTATCGCT
GGTTCGTTTGATGATTAAGATGGATGGAAGCGCGTGTTTTTAGACGTTATGTGGATTAATTTTCGATGGATGT
GGAACGTGGTTATGTCTGTGGTAACGGTGGATATCGAAGTGTCAAACCACAGTGCAAACACTTTCTGACATAA
GGATCCCGTTCTCTTCTTTTATTTCTTGAGATTTATGTATTCATAGAAATATGAAATGGGTACTAGTTTTT
GAAATCAAGGTATTTCTCTGATGTATGGGTGTTTTCTCTCTCCGAGGTTTGGAATCCTTTGGAGAATGTAGG
CCTTGTAATCTTTGGTCTGCTTAACGAACGCTCAATGTTTTGATGTCCATAACCTGTTTGTGGAATTAGCT
ACCCTGTGGATGACAACGCGTTCTTCAGAGCATCTGAAATCCTTATGGAGGGAGTTGTTATTTTGAGAAACC
TACTTAAAGTTTAAACCAGATATTTTGTGCACATCTTAATTCTCTGTTAATTGACTCCTTATTGTAGGGGACTTC
ATCCTTTTTCCCATATCTTCAATTATCTCCAACCTTTTAAACAAGCATTTTGAAGTTCTATCCCTATGCTGCCTT
TTACCATTGGTTGTGTGCTTAAAGGGTGCCGGAGTCACGCATAATTGGTGTAGTATTCTCTCGTTTTAATATT
AGATCAGGAGGTATCTGCGACTCTTTCACAAAACCGCGGCCATCCATGAAGCTGATTTAAAGGTTCTTTTAAAC
TTGACAATCAATTTTTGATCCATGATCATTGTTATTGTTTAAATTCATATTATCGGGATATGAATTAGTGTAGTT
GTCAAATGGTGACCAATAGGAATGAAACAGTTTCAAGTAACTGGAATGCTGAGAGGCGGCCACCAAACTGAT
CTGGTACTTTTTCTCTCCATCTCTCAGAACCGTTCATGAAATAGTTCTTAAATCTACAGAGAGAATCTCGGCAT
GGGGCTGGAACCTCTGTTACAATTGATCGTATTGCTGTGAGTTTTTACGGCTTTTTTACTGATTCTTGCGTGTTT
ATGATCGCGTGTGGTGGTTCCTATATGATTCGTCTAGTGCTGTTTTGTTATGGGTGTGTTTAAAGGTTCTGGC
TCTCTAAGACGATCAATCAGAGATTAATTTTCGATGGATGGATGGGGTGACGGTGGATGCCGCCGTATTGTGT
AAATATAAGTGCA

>trans_s_243 XM_002877594|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AMP-dependent synthetase and ligase family protein, mRNA

AATTCGAGTTTTATTATTCGGACTCGGAATCGAAATCGAAGCTGCTTCTCACATCGAAAGAAGGAATTTCAATCGGCACAA
ACGGCTGCTACAAAGCTTAATATTCCTCAAGTGAAAGTGAGCCTGTCCAGTGCGGATGAGTATATTGAACTCT
TTCCGTCCTCCCAATTGAAATGAGCTCGAATGTTGTGGAGATCGTTAACGATCCGTCCGACGCCGCTCTCTTCTC
CACACCTCCGGCACCACCAGCCGCCCAAGGGCGTGCCGCTGACTCAACAAAACCTCGCCGCCTCTGTTTCTCAGA
ATATTAAATCTGTGTACAAGCTTTCGGAGTCCGATTCAACGGTACTCGTTCTTCCGTTATTCCACGTTACGGAT
TAATGGCGGGGATTACTATCATCGCTAATCGCCGGAGCCGCCGTGACTCTTCCAGCTGCCGGACGATTCTCGGC
TACAACGTTTTGGTCCGATATGATCGCCTACAACGCGACGTGGTACACGGCGGTCCCCACGATTCATCAAAATC
ATACTCGAGCGCCATTTTCAGCAAGCCAGAGCCGTCGTATCCGAAGCTCCGTTTTATTTCGACGCTGTAGCGCGT
CGTTAGCACCTTCGATTTTGAACGATTGGAACAATCATTTCGGAGCTCCGGTTCTCGAGTCTTACGCAATGACT
GAAGCGTCGCATTTAATGGCGTCCAATCCGTTGCCGGAGGACGGCGTACACAAAGCCGGATCAGTAGGGAA
GCCGATTGGTCAAGAAATGGCTATTCTGGACGAGAACGGCGCGATCCAATCGGAAGGTGTGAAAGGAGAAG
TGTGTATTGGGGACCAATGTGACGAAGGGATATAAGAACAATCCAGACGCTAACAAAGTCCGCATTCATGTT
TGGATGGTTCCACACGGGCGATATCGGCTTCTTCGACTCCGACGGGTACTTGCATCTGGTCGGCCGAATCAAG
GAACTCATTAACCGAGGAGGTGAGAAAATCTCTCCGATTGAAGTAGACGCCGTGCTTCTATCTACCCCCGACA
TTTCTCAGGCCGTGCGCTTCGGAGTCCCCGACAACAAGTACGGCGAAGAGATCAATTGCGCCATAATTTCAAG
GGAGGGAAAGTTCGATCAACGAAGCGGATGTGCTGGAATTTTGAAGAAAAACCTTGCGTCTTCAAGGTTCC
GAAGAAGGTGTTTCATCACCGATTCTTTACCAAAAACCTGCTACCGGAAAGATCCAACGCCGAATCGTAGCGGA
GCATTTTCTTGCCGCTAAAGCTTGATCCGATTGAAGTTGAACTTGGATCGGGAATCTTCTTTTTTTTTTCTTTTT
GGGAAAGCTTANGGGAGGTTGTTGTTAGTTTATTACTCCGACGATGTTGATGTTGATGTGATGCGATGGGTTCTAT
TGTGAGAACTACGAACAATATTTTATCTATATGTAAAAGAAAATAAAATTGATATATTTTCCATTAAATAAATA
TAGTTTTATTTTCGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_244 XM_002299411|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

CAGAGGCACGTGCTGCTTCCATTCTTGCTGGCCTGAGTTTCTCCCCAGAAATGCAGAAGAAAGCAACCAAAAC
GTTTTCGGGAGGTTGGAGGATGCGTATTGCTCTTGACGTGCATTGTTTCATAGAGCCGGATTGTTGCTACTT
GATGAACCCACAAACCATCTTGATCTTCATGCTGTTCTCTGGTTGGAATCGTACCTTGTGAAATGGTCCAAAAC
ATTCATAGTTGTTTCTCATGCTAGAGAATTTTTGAACACGGTAGTCACGGACATCCTTCATCTTCAAGGGCAAA
AATTAACGACTTATAAAGGTAAGTATGATACATTTGAAAGGACGAGAGAAGAGCAACTTAAGAACCAACAGA
AAGCATTTGAGGCAAATGAACGGACAAGATCACATATGCAGTCGTTTATCGATAAGTTCAGATGCAATGCAAA
GAGGGCATCTCTTGTTCAATCAAGGATCAAGGCTTTGGAGCGAATTGGTCATGTGGATGAAGTTATAAATGAT
CCAGACTACAAATTTGAGTTCCCAACTCCAGATGACAGGCCAGGTCTCCTATAATAAGTTTCAGCGATGCATC
ATTTGGCTATTAGGTGGCCCCATATTGTTCAAGAATCTGAATTTTGGGATTGATCTTGATAGTCGAATAGCAA
TGGTTGGTCCAAATGGCATAGGTAAATCAACTATACTCAAATTAATTGCAGGGGAACCTCAACCTACCTCTGG
AACTGTTTTCCGTTAGCTAAGGGTCTGAATAGCTGTCTTTAGCCAGCACCACGTTGATGGGTAGACTTGTCTT
CAAATCCACTTCTGTACATGATGCGTTGCTTCCCTGGTGTGCCAGAACAGAAGCTTCGAGCTCACTTAGGTTCA
TTTGGTGTAAACCGGAAATCTTGCTCTTCAGCCTATGTACAGCTATCTGGTGGTCAGAAAAGCAGAGTCGCTT
TGCGAAGATCACATTCAAGAAACCACACATAATATTACTTGATGAGCCATCCAATCATCTGGATCTGGATGCA
GTGGAGGCTCTAATCCAAGGCCTTGTTTTGTTCCAAGGAGGCATTCTCATGGTTAGTCACGATGAGCATCTGA
TATCGGGAAGTGTCGAGGAGCTGTGGGCAGTGTCTGAAGGTAAAGTAAATCCATTCCGTGGCACATTCCAAG
ATTACAAGAAGATATTGCAGTCTTCGTAGAGGAATTTGACTTAAAATGAATTGTGTTGATATGGTTGTGAGG
TAGCTTTAATATACACTATGTGCGCTTGAAGCTTTTCAACAGTTTTGGAATTTTATACATGTATACCACAAACAG
ACATGGAATTTTCCAGGATAAAAAATGCCATGTTGAAAGTGTAAGTGAACCTTACCAGTCTTTGTTATATTCCTTC

TCTTCTGATTGGGGTGTAAACAAGGATTCTTCACATTGACTAANAGGTAGGAAATCTGGTATTTTATCTGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_245 Y09101|P.sativum mRNA for cholinephosphate cytidylyltransferase

AAAGAAATAGGGAGCGAAAATGTCGCGCTGTCGGAGGTGGACGCCATATAACGAGAGTTTAAAAATAAAAT
AAAAAAGAAAAATAAAAAAAAAACGAGAAAAAGAAATTAAGAAACGCACAACAAAAGGCTCAGCGAAGAA
AAAGAATGAAAGCAAAAGAGAAGGGGAGATTTTAAGGTAATTCGAATGGCGGAGGTGAAGCCCGCGATT
CACCACCAACATCACTACCGACACCACCACCACCGCTTCAACGGTTCTCAAACCATTCGAATTCGGATCAGC
CAACGGACCGTCCGGTTCGAGTCTACGCTGATGGGATCTACGATCTCTCCATTTTGGTCACGCTCGCTCTCTC
GAGCAAGCCAAGAAATCGTTCCCGAATACCTTTTTGCTAGTTGGGTGTTGTAATGATGAGACTACCCACAAGT
TTAAAGGGAAAAGTGTATGACTGAAGCTGAACGATATGAATCTCTTCGCCATTGCAAGTGGGTGGATGAAGT
GATTCCTGATGCACCTGGGTGATCTCTCAAGAATTTATTGACAAGCACAAGATTGACTTTGTGGCCCATGATT
CTCTTCCTTATGCTGATGCTTCTGGGGCTGGGAAAGATGTTTATGAATTTGTTAAAAAGATTGGAAAGTTTAA
GAAACAAAAGGACGGAAGGAATCTCAACTTCAGACATTATCATGAGGATTGTGAAAGATTATAATCAGTAT
GTACTGCGCAATTTGGACCGTGGTTATTCAAGGAAAGAGCTTGGAGTCAGCTATGTGAAGGAAAAACGGCTG
AGAGTAAATATGAGATTGAAGAAATTACAGGAGAAAGTTAAGGAGCATCAAGAAAAAGTGGGAGAAAAAGAT
TCAAACAGTTGCAAAAAGTCTGGCATGCACCGGAATGAATGGGTAGAAAATGCTGATCGTTGGGTAGCTGG
GTTTCTAGAGATGTTTGAAGAAGGTTGTCATAAGATGGGCACGGCCATCAGAGATCGAATTCAGAGCGATT
GATGGGGGACAGCAGCTGAAATATATATCAAATGGCAAGGACAGTGACTCAGACCTTGATGAAGAATATTA
TTACGACGATGATGATAATGAAGAATACTATGATGACGATGACGATGACTTCTATGAAGAATTTGAGAAAGAT
GAAAAGAAAAGGTAGGGCATTGTTTATGTCAAGTTTGAATACATGTCACGTGCTTGTTCTGTAATTCTACAG
TATATTTTGCTACTATATGTTTAGATGATGCAGATGGTAAAACCATAACTGCTAGTTTGTTACCAAAGCCAGAA
AAAAAAGAAAGGGCACTTTGGTGATGATAAGGTTAGGAACCATTTCTTTGGTGACCCCTTTTAAAGATATA
TGTTTCCTTTTTTGTGCATATGGATGAAAATTTTCTTTCAAGCTTTGTAAAACAGGTCGATATGAAAGCCTTT
TTTTTGCTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_246 GQ292783|Gossypium hirsutum UDP-L-rhamnose synthase (UER2) mRNA, complete
cds

AGAATTGGTTCAATTTCTTGGATCCAAATCCTAAATATATTACTCTTCCCATTTCCTCTCAATCTCTTCTTCTT
CAATCTCTTCTTCTGCCATTACCCATGGGGATTCTCGCTGACAGTGGGTGAGGTTCTTCTCTCAAGTTCTTGA
TTTACGGCCGGACTGGCTGGATTGGCGGTTTGCTTGGCCACCTCTGCCAACACAGGGTATCGATTTCACTTA
CGGCTCTGGCCGCCTCGAGAACC GCGCCTCCCTCGAGGCTGATATCGCCGCTGTCAAGCCAACCCATGTCTTC
AACGCTGCTGGAGTCACTGGCCGCCCAACGTCGATTGGTGCGAATCGCATAAGGTCGAGACCATTAGAACC
AATGTGGTCGGAACCTTGACCTTGGCCGATGTGTGCCGTGAGAGAGGCTTGATCTTGATTAATTATGCCACTG
GCTGCATTTTCGAGTATGATTCCGCACATCCTATCAATTCGGGGATTGGATTCAAGGAGGATGAAATCCCTAAT
TTTATTGGATCCTTCTATTCCAAGACGAAAGCTATGGTTGAGGATCTACTAAAGAACTATGAGAATGTGTGCAC
TTTGC GCGTT CGGATGCCTATATCCTCGGACTTATCAAATCCTCGCAACTTCATTACCAAGATTACTAGATATGA
GAAGGTTGTCGACATCCCAAACCTCAATGACAATCTTGGACGAACTCCTTCCGATCTCCATCGAAATGGCGAAA
AGAAACCTCACTGGAATATGGAACCTCACCAACCCAGGAGTGGTCAGCCACAACGAGATCTTGGAGATGTAC
AAGCAATTCATTGACCCCAATTTACATGGAAGAAGTTCAATCTGGAGGAGCAAGCCAAAGTGATCGTCGCC
CACGAAGCAACAATGAGCTCGATGCAACCAAGTTGAAGAACGAATTCCTGAGCTCTTGTCATCAAGGACTC
TCTCCCAAGTATGTGTTCAAGCCAAATCAGAAAACCTCCACAGCTTAAAAACCCAGTGGTATTTTCTGCTCC
ATATTTCTCTTCTTTGATTTTGTCTTTGCCATTTCCGTTGATTGCAATCTTTGGCGCCGAGCTCTTGAATATC
AAATCTTTTCCCCTTAGCATAGGACATAGAAGCTTGATTATGATCCATATTCGAATACCATATCTATTATTTG

TTCTTATCATTATTGAATAAAAGTAGCTTGAAATGATCTTGTGTGGAGTTTCAATTTAGGCCATGTTATGGGGA
GAACAAGATGTAGCATTTTGGTATTTGTAACCTTGCTGATTTTGGGTCTAAACATTATTGAGAACTTCTGTGC
TTTATCAGTTATGGTTTCTATTTTGTAAGATGAAAATCATCTTTAATGTAGTTGTCAATTTTCTCAACTGTTGCAA
TTGCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAATCAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_247 AJ313509|Lycopersicon esculentum mRNA for protein tyrosine phosphatase
(ptpkis1 gene)

GGGAAGAAATATCAATCACGGGAAGGCATATCCTCTGAGATTCACAGGAACGTGATCGAAACTATGCTGTGT
AGCTACGTAAAGTGAACCAACGCGTTGATCGAACTCCAAAGTTTCAATACCTGCTTTAGAGCTCTGCTGATTTT
GCTTCATCGTGACCGGCGACCGATCGCATCGGCCATGAACTGTCTTCAAAACCTTTCAATATCATCTTCTCTTC
CCTTCCGGAGCTTCAAATGCCGACAGAGAAAGCCTGAATTCAGCTCTCTAACCTGGTGATAAGGAACTTTAC
TGATCTACATCGACGTTCTTCCATGAAGGCAGTGTCTGGTTCTACATCAAGTGCCGAAACGAGTGGTACAGAA
GTGGACGATGCCGAGGAAAAGGAGGAAAAATCTGAAATATATAGCCATAACATGACAGAAGCTATGGGTGC
TGTATTGACATATAGGCATGAGCTGGGAATGAACTACAACCTCATTCTGTCAGATTAAATTGTAGGATCATGCC
TACAGACTCCAGAAAGATGTTGACAAGCTCCGACGATTGGAGTAAGAACAATTTCTGCTTGACGCAAGATCC
AGATTTAGAATATTTTGGGGTTGACATTGGTGCTGTAATAGCATATACAAAGACGTTTGATGATATTGAACATT
TGCGAGCTCAGATAAGGGATTTTGTATGCATTGACCTACGACTAAGATTACCAGCTGTTGTAAGCAAATTACA
TAAAGCCATAAACCGAAATGGTGGAGTGGCTTACATACATTGCACTGCTGGACTTGAAGAGCTCCCGCTGTT
GCGATGGCGTATATGTTTTGGGTTCAAGGCTACAACTCAATGAGGCGCTTGAATTACTGCTGAGCAAACGCT
CATGCTTCCCAAAAATAGATGCTATTAAGTGCAACTGCCGACATACTTTCAGGATTTAAAAAGAAGCCTGTT
GCTTTATCTTGGGAAGATGACCAATGCTCAACTGTAGAAGTAGCTGGACTTGATATTGGATGGGGCCAGAGG
ATTCCATTAATAATTCGACGAGGCACGAGGTGCATGGATTCTCAATAGGGAACCTCGCGGAAGGACGATATGAA
TACAAGTACATTATCGATGGTGTATGGACGTGCAACGAAAACGAGCTTGTCACTCCACCAAACAAAGATGGCC
ACATCAACAATTTTCAATTGAAGTTGTTGAAGATGAGGATCCAGGCAGTGATAGAGCAATTCTTGAAGAAGGTT
AACTGGAGATGAACCAGAACTCACGGCTGAAGAAAGAAGCAAATAAGGCAATTTCTTGAAGCTTGTCCAGA
TGAAATTTGAATGAAGGTATGTTGCATTCCAATATTCTCTAGATTTGTATTAATATATATATAATATTGTTCT
GATAAAGATATCGTAGGGAAAAATGATATGTAATCAAATCTAATAATAGTAGTAGAGTCAATAAAGAGAAC
CAAGTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_248 NM_129513|Arabidopsis thaliana PGGT-I; CAAX-protein geranylgeranyltransferase/
protein heterodimerization (PGGT-I) mRNA, complete cds

ACTTGGAACGCGAGTGAAGGCAGGAGTCCTCCGGTCTACGGAGGCGTCGCCATGGATTGAGATTCGAGCCT
GCTTGAAGATTCTCCACTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTTCTTCTGGTTTCGACAGAGATCGTC
ATGTGATGTTCTTGGAGATGATGTACCAGTTGTTGCCTTTTCAATATCAGACTCAAGAGATCAACCACTTACG
CTTGCTTACTTCGTCATCTCCGGCCTTGACCTTCTTGGTGCCATGGATCGTGTGGACAAGGACAAAATTGCAAA
TTGGGTCTTGTCTTTCAAGCACTTCTACAATCAAGGCTGAAAACCCCACTGGAGAATTTTATGGATTCTGCG
GATCAAGAAGTTCTCAGTTTCTCCAGGGGAGAATGGGGATTTAATTCACAACGGTAGTCATTTGGCGAGCAC
ATATTGTGCCCTTGCAATACTGAAGGTTATTGGTTATGACTTCTCCAATATTGACTCTGAATCAATTGCAATCTC
AATGAGAAACCTTCAACAATCTGATGGGAGCTTTGTGCCTATCCATATTGGAGCAGAGGCTGACCTTCGGTTC
ATCTATTGTGCTGCTGCAATCTGTTATATGCTTGAGAATTGGAGCGGGATGGATAAGCAGAAAACTAAACCT
ACATACTGAACTGTCAGTCATATGATGGTGGCTTCGGGTAACTCCTGGCTCAGAATCTCATGGCGGTGGAAC
GTATTGTGCTATTGCGTCTCTCCGTTTAAATGGGTTTCAATTGAAGATGATCTTCTCTCCAGAGACAATCCTTCTTC
CATAATAAACGTCCCATTGTTGCTGGAGTGGTGCTTGAGAAACAAGCAGCTGATGGAGGATTTCAAGGTCTG

ACCTAACAAGCCTGCTGACACTTGTTACGCATTTTGGATTGGATCTACCTTGAGGATTTTAGGAGGCCTCGATT
TCATATATAAGAAGGCTTTGAAGGCATTTTTGTTGACGTGCCAGTCAAAGTATGGTGGTTTCAGCAAGTTTCC
GATGGATTTTCTGATTTATATCACTCCTACTATGGATTTACTGCTTTTAGCCTCTTGGAAGAGCCCGACATCAA
CTCTCTGTTTGTGAACTCGGAATAACAGATGTTTCTGCCTGGAGAATCTAACTCAAGAATGTTTGTTCGACAT
TGGGATGAATCATTTTCACTGCTTTGCTGGCTCGATTATCATTCAATTCCTCTTTCTAAATCTTTCAGCTAGCCT
ACACAACCTTATTACAAAAAATGTAGAGTTTGATCTTTAGCTGTTTACCACTCCAGATAGAGCTTCATCCAGAAT
CCTGGTTTGTATACTTTCTAAAATACATGTATCCCTTCTCTGATTGTAATTTTATATTTAAGTTTTAAACACAAG
ATCTGGTTTGTATCCTATGTTTCTTAAAGTTCAAGTAAGCGATTATATGTTTTTTCAGCNAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_249 HM462002|Gossypium hirsutum MFP mRNA, complete cds

TAAAACTATTGAAGCAAATCTCCGAGGCCTAGTTGTTAAAGGCAAGCTGACACAAGATAAGGCAAATAAAG
CTCTTCTGATTCTTAAAGGTTCAATTGGATTATTCAGACTTCAAAGATGCGGATATGGTGATTGAGGCGGCTGTT
GAGAATGTTCTCTTAAACAAAAAATATTTAGTGAAATTGAGAAAATATGCCCTGCTCACTGCATATTGGCAAC
AAATACCTCCACTATCGACCTCAATCTAGTTGGAGAAAAAACAGATCCATGGATCGAATTATTGGAGCACAT
TTTTTCAGCCCTGCTCACGTGATGCCCTCCTTGAAATTGTACGGACAGAAAAGACTTCTCCACAAGTTATTCTT
GATCTGATGACTGTCGGGAAAATCATAAGAAGGTTCTGTTGTTGTGGGAACTGCACTGGGTTTGCAGTCA
ATCGTGCGTTTTTCCCATATGTTTCAGGCTGCACAATTTTTGGTTAACTTAGGTGTTGACCTATTCAGAATTGACC
GGGTGATCACCAATTTTGGTCTTCCCTTGGGCCCTTTCAGCTTCAGGATTTAAGTGGATATGGAGTGGCAACT
GCCGTATGGAAAGAATTTTCTGCTTCATTTCCAGATCGGGTTCTATTCTCACCTCTTGTTGACCTAATGAGGAA
AAATGGACGCGACGGTAAAAACAACGGTCGGGGATACTATATTTATGAGAAAGGAAGCAGACCAAAGCCCG
ATCCTTCAATTTTACCAATTATAGAGGAGTCTAGGCGCATTGCCAACCTTATGCCAGTGGAAAGCCTATTGCA
ATTTCTGATCAGCAAATTTTGGAAATGGTACTCTTCTGTGGTAAATGAGGGATGTCGAGTGGTAGAAGAAG
GAATCGTTGTTAGGCCGTCCGACCTTAATGTTGCAACTGTTCTTGGAATGAGCTTTCCTTCTACCGCGGAGGC
CTCCTGTTTTGGGGAGATTTGGTTGGGCCCAAACATGTATATGCAAGTCTCAAGAAATGGTCAGAACAAATATG
GTGATTTCTTCAAGCCCTCCAAGTATTTAGAAGAAAGAGCAGCTAAAGGCATACCTTTGAGCGAAGCCAATTC
AGAAAATGCAGCATCGAGATCCAACTCTAAGCAAATAAGCTTCTTCTTTTCTAATAATTCTTCCCTTTCTTA
GATCTAGCAATCGCCATTAGGATAAGCATCAAGAAGGGCTTTGTAATGCTTTTTACTTGCTTTGTTATTTTGT
TTCAAATGTTAGGTTTATGGTTTTCTTTTCTTATTCTCTTTTGGTTGGTAATTCAGTTCAATGATGTGTGG
GGTGGGGATTTGAAATCTTATCATGTGAAGGATCATCCATTGAACTTTGGTAGTGTATTTAATCTC
TCTAAAATAAAAAATAAAAAATAAATAAGTAGAGGAGGCTAATAATTATATGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_250 AY094029|Arabidopsis thaliana At2g30700/T11J7.9 mRNA, complete cds

GGGCTAAGTTTGTCAAAACCTGATCAAATACCTTTTGTGTCTCATCCCCAGTCAAGTCCACTCTTAGTTGTATCT
TGTTTTCTCCTCAGATTCTACAACACTTTTAGCATTCTTCAACGTTATTGCATTCCCTTTGTAATCTGTGAGGGC
TGCCTCAAACCTGAACTAGCTATGGACGTGCGTTTGACAAAAATCTGGAACCAATTCTATGGGAGCTATAA
GAAATGACGACCTCTACACAAACCATCTTGTACATTATCAAATTCAACGCCACCAAAGTTCAAACAAACCAG
AGCATTGTGGCAATAGCCTTTAACAGAACTTTGGTGAATATTGGCCGCGGAATTCTGAGGAGGCGATGTT
GGTCACCGTTGCGGTTGCGGTTGCGGTGGCGGACATCATTTTTCCAAGCGCGGGTCGGCGGTCTTCTTCGTT
TCTACGGAATAGAGACTTATCCGAGTTGTGATACGACCGCTTTCGGTTGGAGTTTAAATAGTTACAAACCA
TTAAAAAAGGAAGAAGCGAAAACCACTGTTTTGAAAGAAACGGAGGTTAAGTTTGGGTGACAGTGGATA
AGAGCGACGAGAGAGAGAGACAAATGCAATTGCAGCTGCCAACTTCTTCTTCTGCAAAACCCCAAGGCT
GTATATCATAAGCAGACAACAGATTACTTTACTCCAAACCTCACTTGACAAGTGTATCTTTTCCAGTCAAATT

AAATATGGTAGCAGCAAAATTTCCCTGAGTAAAAATAACAGATATCTTCCAGCTGCTTGTGCTGTGTTATCAGA
AAATGCGAGTGTTTCATCTTCTCAGTTTGAAGACTTCTCCGTCCTAATGTTACCAATACAACCTGAGAATAAAG
AACTAAAGATTTCGTGTTGAGGTGTCAGGAACCAAACTCGAGCAATTTTCAACGTCGTGTTTGACAGAATGGT
TGCTGAAGCCCAACCTATTCCAGGTTTTAGAAGAGTGAAAGGAGGAAAGACGCCAAATATACCCCCGAGACAT
TCTATTAGAGATACTGGGACCTTCTAAGGTGTACAAACAAGTTATTAAGGAAGTTATCAACTCTACTGTTGCTG
CATATGTGGAAAAGGAAGCTCTAAAAGTGGGTAAAGACTTGAGAATAGATCAAAGCTATGAGGATCTTGAAG
ACCAATTTGAACCAGATGAAAAGTTCTTCTTTGATGCCATTATTCAGCTCAAGGAATCAAACCTGAACCTACTAAA
TTAACATACATCTTGAAGACCAACTTTTTGTTAACATACATTCAGCTCAAACCTCGATGCAATTTTGCTAGGAATCT
CCAAATTAGGTTGGCCATTATTTTGTGTTTGGCAGAGGGTTATCATCAATTCAACCAAAATGATAGCATGT
TGGAGCTTTTAACCAAGTAGTTTTTTCTTAGAAAACCTACCTATTGGTTCGTATACTTTGAACATTTTAATATT
GTACTTTCAATTT

>trans_s_251 NM_001073626|Oryza sativa Japonica Group Os12g0573000 (Os12g0573000)
mRNA, complete cds

AGTGATCGGAGAGCTTCTCAACGACTGAACTGTCTTCACCACCGCCTTCCTTAGAGCATCGCCCTTCTCATTCTC
TCCCGGTGACGTCATATAGCCTCTACCTTCTTTGCTTCTCCATTTATCCGACGTCCTCTCTCCTTAGCTTTTG
GTTTCTATCGAAACAATCGATGGGTTCAGACGAGGAAGTTGTGGAAATTAGTAGTTTGGAAGGGGTCTATT
GTCGGAATGCAGCTCTGATTTGGAACCCGAAAGCGATGATGAACCTGTGTTGTTTGCAGCTTCCTTTCAAGAG
ATGGAAGACAATTTTGTTAAGTATCATACAGCACAGTGGGTCTTTACCCCTTGCTTTTGATTTGGCGTGGGG
GATTGGGTGTTGATGTTGCTTATCTACCAGTAAGAAGATACATTCTGCGGAAAGATCTTCAATCGAAGAGG
CTTTATCTTACGCCGAATTCAATAGTATACAAGGTTACAAGACCTGTACCTTTTCCATGTTTTGGAGTATTGAAG
AAAGAGAAGCATGTTCTGTTGCCTTCAGTGGCAGACATTATAACTGAACAAGGATATTTGGAATCTCTCTATG
GAGTTTACTCTATTAGGATAGAGAATGCTGGCGTGAGAAGACCACCTGGTGATGACGTTTCATATCCAAGGAG
TTGCGGATCCAATTGCATTTAGAAAGGCTGTTCTAATGCGTCTTGCTGATATGAGAGATGATGGCAAACTTCT
CAATTTTCTACAATTGAAGAAGTTTTAAATACAAAGAGAGTTTCAGGCTTTGATTGAAGAAGCACGGTCTCAAG
TATCTAACATTTTAGATTGAAATCTTTCATTGACAAAGTTTGTCTTGCTCGAGTTTTGTGATCAGCTCCAAAATG
GTGGAAGGCCAGTCCCAATTTTATGAGGATTGAAGCCGAGTATGCTGAAGAAAATATACTCCTAACGAGTAA
GATTTCTTCTAACTCTATTCTATGGCCGATGAGTCGTATCAATTACCATTGTATACTGATTGAGGGCCTAAG
GCTGTAGTTTTGGAAGAAATGTTCTAGTTTACTCTCGTATAGATGTATTTTTTACTGCTGGAAACCACCAAAGT
ATATATATGATATAAACATGGTTTTGGGTAAAAAAGAGAGAGTTTCAGGCTTTGATTGAAGAAGCACGGTCTCAAG
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAACC
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCGAAAAATTTAACCAAGCCCCCACC
CCCGGGGGGGGGCCCGGGACCCCATTTCCCTTAAAAGGGGTGAAAAACCCCGCCACCGGGGGCCCCCTTTTA
CACCCCCCGGGCGGGGAAAAACCTGGGTGTCCCAAATTAACGCCCTGTGAAACCTCCCCCTTTCCCCCGTTG
GTGGAAAAAACAAAAAGC

>trans_s_252 AF172681|Canavalia lineata amine oxidase mRNA, complete cds

ATGGATTTTGATGAACATTGGTATTTTAAGACATATATGGATGCTGGAGAATACGGATTAGGATTGTTGTGCA
CGTCGTTGGTGCCATTGAACGACTGTCCAAGGAATTCGTATTATATGGATGGGGTGTTTGTTGATGGAAATG
GGAAGCCGTATGTTCAAGAAAATATAATATGTGTGTTGAGAGATATCCTGGAGATATCAGTTGGCGCCATAC
TGATACCTTCTTCAAATGCAAAGTCAGGAGAAGCTAGACAAAAAGTGACACTTGTAGCTCGCATGACATCA
ACCTTGGGAAATTATGACTATATTATTGATTGGGAGTTTCAAACAGATGGTTTAATTCGTGTTGAGGTTGGATT
ATCAGGGATGCTAATGATAAAAGCAACACCAAAAGAGTATACAGAAAACAAAGACAATGAAGGATTTGAACC
ATTGGTATCAGAAAATGCAATAGGAGTGGTTCATGATCACTACATAACATTTTACCTAGACATGGATGTGGAT

GGTGTGAATAATTCATTTGTAAACATCGATCTTGTTAAAGAAGAACAAGTTAACAAATCACCAAATCCTCGCC
AAGGAAAAGCATATATAAACCATATAAAAAAGTGGCTAAAATGGAAGATGAGGCTAAAATTATACTAAGCCT
TGTTGATCCTTCAGAATTTTCATGTGGTGAACCCAACCAAATTGTCCAGATTGGGCAACCCATCGGGGTATAAG
ATTGTCCCTACAGCCACAGCTGCTAGCTTGCTTGATTGGACGATCCTCCACAAATCAGAAGTGCTTTCACTAA
TAACCAGATTTGGGTAACCTCCATACAACAAAATGAGCAATGGGCGGGTGGGTTTTTGGCATACCAAAGCAG
GGGAGATGACACATTAGCAACCTGGTCTCAAAGAAACCGTCCCATCGAGAATAGAGACATAGTATTGTGGTA
TACTTTAGGGTTTCATCACGTCCCATGTCAAGAAGATTCCCGGTAATGCCAATTGTGTCTCTAGCTTTGATCT
AAAGCCCGTTAATTTCTTCGACAGAAATCCCATTCTTCGAGCAGCCCCTGCTTCGTGGATGACTTACCTGTGT
GTAATGTTTCGATCTTCACTAACTTTTAAGGATGTCTTATTGAACTTAGCTTTGTAGTTTTTGGAGTTGGAGTTT
CCGTTACTTATCTACATAGTTACTATGTTAAATAAAAAGGTTATGTAAAGGCTCTATTTAGGTTAATGTACCTAG
AACCATGAAAATAAAATGTATTAATTAGTTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCA
AAAAATTTTTCAAACCCCCACCCCCAGGGGGGGCCCCGGACCCATTCCCCCAAAGGGGGGCCAAATAACG
CCCCCCCCCGGGCCCCCTTTT

>trans_s_253 NM_120695|Arabidopsis thaliana chaperone protein dnaJ-related (AT5G06130)
mRNA, complete cds

AGTTAAGCCAATCCTCTCAATCTTCTTCTCGGCAAAGACAAAAAATGGAAAGTGGGAACCGTCAGTGTTAG
GTAGGCACAAGAATGGCAAACGATTCTCAAACTAAATCCTTACAATCGCATCAGCCCTATCCCCCTCTTTTTTC
TTCCAATTCTCCCTCGAAATTCCCTTTCTTCTCTCTCTCTCTTTTGCTGTTTTCGATGTCTCTACCTTCTAC
CTTCGCTCCTTCTCTCATTTTCCCCTCCAATTTACATTTCAAGCCCTCTCGCCATTGCAGAGCTTCAATTTTCT
TATCCATCGACTATGGATGCTGCAAATCCCTCTATGCATCCTCTAGGAATACTCCCGACGATCGCTGCGCATC
TGCGCTTCTTCGTCCGATGGCGCGTCGGCTTCAGTTCCCTCTGATAGTGATAACACTCCCAGTAACTTTGTATC
ATAGAAGGACCGGAGACCGTTCAAGATTTTGTTCAGATGCAATTCCAGGAAATCAAGACAACATAAGGAGT
CGTCGTAATAAAATTTTTCTTCTAATGGAAGAGGTTAGAAGATTACGAATTCAACAACGCTTGAAGAATCTAA
AAGCTATCGATGAGAATGACAATGAAGAGGCGTATGAAATGCCTGAAATCCATCATCTATTCCTTTTCTTCCC
CACGTGACACCTAAGACGTTGAAGCAGCAATATTTAACAGCTTGTCAAGTTATATGGGGAATAATTGTATTTG
GTGGCTTTATTGCCCAACTCTGGAGCTAAAATTGGGATTAGGCGGCACTTCGTACGAAGATTTATCCGCAA
CATGCATTTGCCTATGCAATTAAGTCAAGTGGATCCCATAGTGGCGTCATTTTCAGGTGGAGCGGTAGGTGTC
ATTCGGCCTTGATGTTAATTGAAGCTAACATGTTGAGCAACAAGAGAAAAAAGGTGTAAATATTGTCATG
GAACTGGGTATCTGGCTTGCTCGATGTTCTCCAGTGGCGTATGCTTAAATGTTGACCCCATCTCACTATCT
GCTTCTTCTAGCCGCCCTTTACGAGTGCCCAAACTCAAAGATGTCTCAATTGTTCCGGTGCAGGAAAGGTAAT
GTGCCAACATGTCTTTGCACGGGGATGTTGATGGCAAGTGAGCATGACCCAAGATTTCGACCCATTTGACTAA
GGTTAACTTGTCAATTTGCATTGCAACTTTTTTTTTCTTCCAAAGTTTCCTTTCGTGTTTGTCACTTAAATATTGG
ATTTGATATATATACATAGATACATATATATAAAGGTAGAAATGTTGGTAAGGTAGCACTTTAGAACCAAG
AAACATTGTCAAAATGAGCATATCCAACATAATACTTATAATATCGGCTTTAAACCAAAGTTTGAATCTCCCC
AAGTAAAAAAGTGTTTATTAGAATTGATTAAACCTTTTGTATGCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_254 NM_105177|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family
protein (AT1G65030) mRNA, complete cds

AGTTCGGGGGCCAATCTCCGTTACGCGTAACAAAATTTGCCGCCGGAGACTGACGAAGCCACCGACTCCGCCT
CCATGAGTCTCATCGCAGGCTCCTATGAAAATTTCAATTGGGGATTCAAGCTAAGACCTTCGAACCCCCAACT
CTGACGCTAACACCTTTTTTCTTACCATTCTCATATTTCCGCCATTAAACCGTCGCCGCCGCCGGCCCGGTC

GCTGCTTCTGGTGGCAATGACCAAACCATTCACCTCTACGACCTCTCCACCACATCTTCTCTCGGATCACTTCAT
GATCACTCTGCATACATAACCTCTCTCGCCTTCTATACTCCTCCTAACCTATCGTTTCCTCGTAACCTTGTCTCTG
CTGCTGCGGATGGTCCGTATGTATCTACGATACTGACCTTTTGTCCACCTCAAGACTGTGTTGCCTCACAGG
AAGGCTGTTAATGATCTCTATCCACCCCTCTGAAAAGCTCGCATTGACTGTGCGCCATGATGAGTGCTTGGC
CATCATCAATTTGGTTCGTGGAAGGAGGAGTTTCTATTGCAGGTTGGGGAAAGAGGCTAGTTTGGTGGATTTT
GATGTTGGTGGGGATAAATTTTTCATGGTTATGAAAGAGAAGGTTTCGGTTCATGAGGCAGAGGATGCGCGG
TTGCTGTGCGAGTTCGAAAACAAGAAGAGGGTTTCCTGTGTACGCCCTGCGAGAACGGCATCCTGCTTACAG
GTGGAGACGATCGTTGTCTTACAGCATGGGATGTGAAAAGTGGGAAGGTGGCATATACAATAGAAGAAGCA
CACCTGCCCCGTGTCAGAGGGATTGTTGTTATGACTAAGAATTCCTCTGGTGCTTTCTCTGACGATGATCCTCA
TGTAAGTTCATCTGCATCAACAGATGGAGTTATACGTGTTTGGGATGTTGGAATGACTGCTATCAAGGACAAG
CCAAATCCATTAGCTGAGGCAAATACAAAAGCAAGACTGACTTGTCTTGCCGGATCGGCTCTTAAATCTCTTCG
GCGACCTCAAACCTGGGAAGAACACATCAGACAAAGGCCAGGTCGTACCAAATGTGATGGAACTTAGTAGTA
GTATTCATTGAGCATGGCTGTGGCCTTTGTTCTTGAACCTATTACATGGTTCATTGTGATCAAGAGAAGGAGAT
CCAATCCAATAAGTTCACATAACATTAATAATGCCAAAGTAGACAACAGAGTCTAGTCCCTCTCTTTCTTGT
CCATCTCAAGTTCATTAGTTCTTCTTAAGAGTTTTGGGTTTTACATATCATGTAAGATTTCTTAGTGTGTTGTT
GTTTGTGTTTTTCTTCTATACTTATTTTTGTAAAGATAAAGAGCTGTTCTTTTTCTCATTGATTATATTGGG
GAATTTTTTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_255 AY058185|Arabidopsis thaliana AT5g54540/MRB17_4 mRNA, complete cds

AAAGAAAAAGACTCAAACTTAAAAGCAATGACTTCCCTCTGAAGTTTCGATCTTCCCGTCTTGCCTCCATTTTC
TCAAACTCCATTGTCATAGCTTTACTTCAAACTCGTTAGGGTTTGAACTTTGCCTTCGCGCTTTCTCCTCATC
ACTCTCCAAAATCATGCCGACCGTAGCTACCAGATTCACTTCAATGGCGACTGCTGGAGTCGGAGTTATCACA
AATCGTTTTCGAAAACCCCGCCTGTTCAAGTCATCGGAGCAATTGCTTGTAAATCCACTCGTCTGTTTCCGTT
CTCACATCCTCTTCTCTCTCCTCAAGCCTTTCTTACCTATGAAACCGAGCTAGTCATGGAGGCTGGGGA
GCCAGTCCCTAGACTCGTATTTGATCGTGTCCCTAACCTTGAAGAATCAAAGGAAGCCACAGCAGATTTGAAG
GAGGTCTTGATGCGATGTATCTTGAATCTGAGCCTCATTCTCATCGGAAATTTCTCTGCCTCTGCACTCTGA
GATAGTAGGTGACGGACCAGGGGTGAAGCATGTTTCATCAAGCATTTCGTTTGCTTGTCAATTCCTGAAATT
CAGAATGCTGTTGCCTCCGCCGCTGCGGACCAGAAGGTATACGAAGCTGTGCTTGAGAATTCTGAAGTCAAG
AACTCATCCAATCATATCAAATCAGTTCTGATACCAATGAGGAGAAAGATGAAGAAAATGTTATCCAGGAGG
AAGAATCAAAGCAAGCGAAATGAAAATGTCCAGGAATCGAAAAGATTCGTAGTTAAATGGTGAAGAATA
TACTGAGTCATCTTCCAGGCTTATTTGGATCTTCAAGTGTAGAGAATAGTTCTGGATCAGATAGTAAAGAAAAC
TCAACCATGAAAGGTGGGAATTTTGGATCAGGCTTTGTGGAAGCTCAGGAACCTGAAAAATTCGGTTGTT
GAAATGGTGAATAAGATACCGAATTATCTTCTAATCTTCATGGATCTTCTTCTCAGCTTCAGAGAGTGTGTTCT
GGATCAGATCATAAAGAAAATCCCAAAGTTCTGTCCCTGAATTGGATATAGGAACATCTTACAGGGTTGG
CAATCATGGTTATTATGATTGTAGTCTTCAAGCGAGTTTAGTCTGCTCACAAGAGTCTGCTGGACCTGTGGAA
GCAGTGTGTAGAGCTTCAAACAAAGGCTCCAGAGTTTGTTAAGTATGTTATAACTTATACGAGTTTATCTCTTG
CTAAATCTTAATAGATAGTATAAGGGAGATACTTTATGTTAACAAGTGTGTTTAGCTTTCTTAGTCAATTCTCT
GTGTGCTATGGATAATGGGATGGATATTATGGAGTTAATTGTACCTCACTTCTCTAGGAGGAACAAGATATCA
ACCTTTTCATTGTATTCTTATTTCTTTAATGAGGTTACCGCCTTTTGGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_256 AF024651|Glycine max polyphosphoinositide binding protein Ssh1p (SSH1) mRNA,
complete cds

AGAACAACAACTAATGGGGATCGGTTCTGAGGAGGCGATCCGGCAGCTCCGAGCTTTGATGGATCAAGTTG
AGGAGCGATTGAAATGCACTTTTCAGAATGTTTCATCAAGGCTATCTAACCGAACTTTGGAGCGATTTCTGAA
GGCGCGGGAATGGAATGTTAGCAAAGCCACAAAATGTTGGTCGATTGTTTAACTGGCGAGTGGACAATGA
AATCGACATGATGCTAACAAAACCTATACTTCCTGTCTGATGTTTACAGAGCGGTTCTGTGATTCTCAGCTCATAG
GACTTTGCGGTTATTCCAGAGAGGGCCTTCCAGTCTTTGCCATTGGTGTGGGGCTCAGCACATTTGATAAAGC
ATCTGTTAATTACTATGTGCAGTCCACATTCAAATCAATGAATATCGGGATCGCATAATCTTGCCTTCTGCATC
GAAAAAGTATGGGCGACCTATTACGACTTTCGTGAAGGTATTAGACATGACTGGTTTAAACTATCAGCGCTG
AGCCAAATCAAGTTACTGACAATCATATCAACCATTGACGACTTGAAGTATCCAGAGAAGACAAATACATATTT
CATAGTAAATGTCCCTTACATATTTTCATCTTGTGGAAGGTAGTTAAGCCTCTGTTGCAGGAAAGGACTAGGA
AAAAATACAAGTTTTATCAGGTAGTGGAAGAGATGAACTGCTCAAGATAATGGACTATTCATCTCTACCACA
CTTCTGCAAAAGGGAAGGCTCTGGATCATCACGTCATTATCTGATGGAGCTGAAAATTGCTATTCTTTAGACC
ATCCTTTTCATCAACAACCTCTACAACCATATCAAGGAGCAAGCAGTTCAGGAATCTTCAAGACCGATCAAACAG
GGATCTGTTTCATGTGAGTCTACCTGAACCAGGTGCAGAAGGAAGTGAATGCGCAGAACCATGAGTTGGAG
TTGCACAAGTATGGGAATGCAACCGCAACAGGAAGTCAAATGGATTATCCAACCTCTAGGCAGCTTGAAG
ATTTGAAAAGTGAAGTAAAGTAGAGTTGATGATGCCTTCTCAGCTTGAAGCAACAGAAGCTGACTTTGCTT
ACTTCATGATATTGAAGGCTGCTGAGCGGAAAGCTCATATTGGAAGCCCTGCCAATGGTATTACACAAAATGG
CTAATGTACTACTACTATTTTTGCAGTTGGCATTAGTTCCCAAGAAATCCACATATAAGAAAATATATTGTATG
TAATTTACATATAGGCTGGCTAAGCAGTCAAGTTCCTTCTAGCTAGATAAGGCATGAAATGAATGTACTTGT
CCTGTAGTCACTGTTCTTTAGTTAACTCTTGCTGCAGAAGCCATTTTCATATATACTGAAATGCTGTTGTTGTCTA
CTAAATTTCTAGATATCTAATAATGTAATAAATATTTTCTTAATATCAATAGCTGGCGGTATTTACTTTTCTTTT
CAAAA

>trans_s_257 XM_002866913|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MRG family protein, mRNA

TCTATCCGCACTGGTCAGAGCGCCACGCGAGCTCACGAGGAAGTGGGCGAGCCTCTATCTCCTTGTTCTC
TTCCTATCTCCGAGTCTTCAACAATGGTAACTCCTCCAAGGACGACGCAGCCACCGACGGCGACATGTCCAG
CGGCGATTCTCCACCTCCAATTCCAGTCTCTACTCCGAAGGCGAGAAGGTCTTGCCTATCACGGCCCTCGCA
TCTATGAAGCCAAGGTTCAAAAAGTTGAGCTTAGGAAGAAGGAATGGAGATACTTTCTGCACTATCTAGGCTG
GAATAAAAATTGGGACGAATGGGTAAGCGTAGATCGGCTGATGAAATGTACCGACGAGAACCCTTGAAGC
AGCGAGCCCTTGAGAAAGGGTATGTGGAAGAGCTCAAAGTCTGGACGTTCTGCACAAGCAAAGCCAAAA
AACTTGACCGATGCAAGAGTGGAGAAAGAGGAGCACAAGAACAATGCACCAAAGGGGAAGAAACGAAAGA
ATGACTCAGGCACCAAGGACAATCAATCCGTAGAGAAAGTTATTAAGATTCAAATACCTTCAACACTAAGAAA
GCAACTTGTTGATGATTGGGAATTTGTTACACAGCAGGATAAGCTAGTCAAACCTCCACGCTCACCAACCGTT
GATGATATTTGACGAAGTACTTGAATACAGATCCAAGAGGGATGGCACGATTACTGACTCGCTGGGAGAA
GTCTTGAAAGGAATACGATGTTATTTTGATAAAGCACTGCCTATACTGCTCTTGTACAATAAAGAGCGTGATCA
GTACCATAAATTAGTCGTAGATGACGTCTCTCCATCAACTATATATGGTGCAGAACATCTGCTTCGACTCTTGT
TAAAGTGCCAGAGCTTTTGGCATATGTGAATATTGAAGATGAAACACAGATCCGGCTACACCAGAAAGTTGCTT
GACTTTCTGAAGTTCCTGCAGAAGAATCAGAGTACTTTCTTCGTCTCGGCATATGAGGGCTGTAAAGGTACTG
AGGGAAAGGGTAAGAGCAAGAATGACTGAAGCGAATCCTTATTACATGGCATGTACGCCTTCATGCTTGCAA
TTCATTATCTGGCGTGGAGGTAGCAGATTTTTATGATGCATGCTGCCTTGGATTGTCAAATCAATCCTCTTGT
GTAAGTGTACAAGCCATTTTCTTCTTTTTTTTTCCATCCCTCTGTTTCTTATTAAGAATAATCTGTTCATTTT
AATTTATATTGGTATGGTGCATGCACTGTCCATTTAAGAGTTCTACTTGTCCAGTAGCTCAACTGCCATCATCTT
TTTTTTCTTTAGAAGAGTTAAGTAGTCCCAATTGCAAGCCTATGCGAAGATGTCAAATGAATGCTTAACT
GTATTGAAATTTCTATCAGGAACTGTTCTTGTGAATGATTTATTGTAGCCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

GTAAAGGAGAGCCACCATCGTCAATTACCAAGCAAGCAAATTCCTCTTTTCCCTTACTTTCTCTTATCTGCTTC
GTTTCCATTTTTCTTGCTCTCTCGGTATTCCACAAAACCTCCGTGATTCCACGACCGCATCAGACTTTCCAATTCA
TCAATGGCGTTAAATCAGGTAGATCCACGGCGGCTGGGGGTGACTCGTGTGACTATTCTGATGGAAGTTGGT
TCCATGATCCTAATTTGAGAACCTCCAGGTACGACCACACCTGCAAGGAGATATTCAAAGGCTGGAAGTGTCT
TGCGGCGAACAATCCAATGCCCTCGAAATCACTAATTGGCATTGGAAGCCGACGCAATGTGATCTTCCGCAT
TTTGATCCCGTTTCCTTTCTTGAGAAGTTCAGAAATAGTAACATTGGGTTTGTTGGCGACTCCTTAAACAGGAA
CATGTTTGTTTCACTTTTTTGTCTCTGAAAAGTGTGGCTGGTGAAGTGAAAAAGTGGCGTCCAGCCGGTGCA
GATCGTGGATTTTCATTTCTAAAGTACAATCTTACAATTGCATATCATAGAACAAATATTCTGGCACGATATGG
ATGGTGGTCAGCTAATGCTGACGGTGGGCCATTAGAATCTCTGGGATATAAAGGAGGATACAGAGTTGATGT
TGACATTCCAGAAAGTTCGTGGATGGAGGCCCAAATTTCCACGATGTTTTAGTTTTAACACAGGACATTGGT
GGTGGGCGCCTTCAAAATTTGACCCTGTAAAATCACCCATGCTTTTTTTCGAAAAGAGTCTGCCTGTCATTCCCT
CCGGTACCTCCTGATGTTGGCTTGGACATGGTTTTGAAACATATGATATCATATGTGGAGAAAAGAATGCCAC
GCAATGCAATCAAATCTTCCGTACGCAATCACCTAGGCATTTTGAAGGAGGTGACTGGTACCAAGGTGGTTC
TTGCCAGCGGCAGCAGCCTCTTCTCCACAACAGGCCGAGGATCTGTTCTCGCTGACGAATAACAGGACCAAT
GTTGAGGTCCGACTTGTAATGAGCACCTTTCAAGGCTCTCAATGGAAGTGTCTTCCATATTTTGAACATAAC
TCCCATGAGTGAGTTGAGGGCAGATGCACATCCTGCCGAGCTGGTGGAAAGAAGCACGACGATTGTATGCA
CTGGTGCTTGCCGGGACTCACCGATACATGGAACGACTTGTTTCATACAACATTTATACAACATTAGACGTTAGT
ATAATTTCTCCTTAACACCCTAAAATTTCAATCTTCTTGATCTGTTAAAAGTGCTCTTGGATCATATTTATTGGAG
CTTTGTAGGATTGAGGAGATGATTCTTCCCTTTTGCAAATTAACCTTCTCTACTTGACTATCAGATTTTAAATTT
CAAGGATGCTTCTGAAAGTTATTTACAATGAGAAAAATATTGAATTAGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

ATTCTTCAAGTTTCCCTACTGATCATTTCTCGAGCTATGGCGCTTCTCTATCGCTCCGTTCTGCTTTCTCTTCGCA
ACTCGACTTATATCAACTATCATCTTCACTACCGTTCTCTCTCGACAATCCTTTCCCCGATTCTCTACTCCTTTG
TCAGCAAAACAAAAATCCAGGGCCGCACTCTCCCTACTGAAAACGGAGGAGAATCCTGAGCGCATAAATTGAT
ATTTGCCGAGCCGCTGCTCTCACTCCAGAATTCATCTCGATCGTATCGCTTTCTCTGTTGCCATTTCCAAGCTTT
CAAAATCCAAGCATTATGATGGGATTACCGGTTCTCGAGGAATTGAAATCTCGTCCCGACTTGAAGAACGA
GCGTTTTGCTTGCCACGTTATTGCTCTTTATGGCCAGGCTAATATGCTTGATCATGCTATTGCAACTTTCAAGCA
AATTGATGAACTGTGTGCGTCACTCTGTAAATTGCTAAATTCGTTGCTATTTGCTTGTAATGTAGCTAAGGAT
TACAAGGAACCGAAACGGGTTTTTATGGAGTTCCCTAAGATTTATGGAATCGAACCGGATATCGATACTTATA
ACAGAGTGATTAAGGCGTTTTCGGAGTCGGGTTCTGTCGAGCTCAGTGTCTTCGATTGTGGCGGAGATGGACA
GGAAGAATGTCAAACCAATGCAACTTCTTTGCGAATTGGCTTGCTGGGTGCTACATGGAAGAGAAGTATG
AGGATGTTGAGAAGGTCCTAAAATTGATGGAGAAATATGGCGTGCGGCGTGAGATTGCTACATATAATGCAA
GAATACAGAGTCTTTGCAAATTGAAGAAATCAGCAGAAGCAAAAGCTTTATTTGATGGAATGTTATCAAGAG
GTACGAAACCAAACTGTGTTACATATTGTGAATTGATTATGGATTCTCTAAGGAAGGAAATCTAGATGAAGC
TAAGAGCCTTTTTAAAAGAATGATCAACAGCGGTTGCAAACCGACAGTAATTGCTATTTCACTTTGATTTACT
TCCTTTGTCGAGGAGATTATGAAACAGCTTTGAAGATCTGTTGCGAGAGCATGGAGAAGGGGTGGGTTCCAA
ATTTTGGTACAATGAAGTCTCCTGTTGATGGGCTAGTTAGTATTTGGAAGGTCGAAGAGGCAAAGCAACTTAT
TGGGCAAATCAAAGAGAGGTTCTCAAATAATGTTGAAAAGTGGAGTGAAATGGAAGCTGGATTACCTCAGTG
AGGAAATTCTGGGATCCTGTGCAACTATCAATACCAAGCGAACGTTGAGGAAAACTAGAGAACGAGGCATT
TTTTCTTGGCTTGAGCTAATTATTCTCTGCATATGTTTTACATCGATGCAGTTAATTGTTTGTTTTGTCAAGAAGC

TGTTATCACAATAGCACTTTTTGTGACCCTTCTGAGAGGCTACGCTGAAATTCTAATGTCTTTATGTTCTGGCT
TTAC

>trans_s_260 FJ882980|Fragaria x ananassa blue light photoreceptor mRNA, partial cds

TATCCAGAAGATTTTGGACAGCGGAGAACAGATAGGACTGAAACATTTCAAGCCAGTGAAGCCTTTGGGATC
TGGTGATACTGGCAGTGTGCATTTGGTAGAACTGTGTGGGACTGATCAATACTTTGCAATGAAGGCAATGGAT
AAGGGTGTCACTGCTCAACCGCAACAAGGTGCATAGAGCTTGTGCCGAAAGGGAAATACTCGACATGCTGGAT
CATCCTTTTCTCCTGCGTTATACGCTTCGTTTCAGACAAAAACACATGTTTGTCTTATAACTGATTACTGCCCTG
GTGGAGAACTCTTCTGCTTTTGGACAGACAACCCACAAAGGTCATAAAGGAAGATGCTGTTAGATTTTATGC
TGCTGAAGTTGTCGTGGCATTGGAGTATCTCCATTGTCAAGGGATAATTTATCGAGATCTAAAGCCTGAGAAT
GTTCTACTCCAGAGCAACGGCCACGTTGCCTTGACGGATTTTGATTTGTCATGTTTGAATTCTTGTAAACCTCA
GCTTTTGCTTCCAACAGCAAATGAGAAGAAAAACAATCAAAAGCTCAACAGACTCCGATCTTTATGGCCGAA
CCAATGCGAGCTTCGAACTCCTTTGTTGGAAGTGAAGAGTATATAGCACCGGAAATCATTACTGGGGCTGGCC
ATACTAGTGCCGTGGACTGGTGGGCTTTGGGCATCCTTCTATATGAAATGCTTTATGGATACACACCCTTAGG
GGGAAGACAAGGCAAAAGACCTTTGCCAACATTCTCCATAAGGATCTTAAATTTCCAAGAAGTATATCGGCTA
GTCTCAATGCAAAGCAGTTAATTTTAGGTTATTGCATAGAGACCCCAAAAATCGATTAGGTTCTCGAGAAGG
AGCCAGTGAAATCAAACGACATCCTTTCTCCGAGGCGTCAATTGGGCGCTCGTCCGTTGCATGAATCCTCCCG
AGCTCGAAGCGCCTCTTTTCCAGACCACTGATGGCGAAAAAGATGCTAATAAAGCATCAGATTTTGATCCAAA
AGAACTGAACTCAGTGTCTTCTGATCGGAAGTGTGCTTGTTGGTTCTGGCTTGTTGTTACAAAGAAATGGTT
CTCTTCAGATAATTCTTTTATGGTTCAATTGTTTTGATCAAAATCACCTTCCGAGTTGTGCAGCATTGTGGAGCG
TTGGAAGCTTGTAATTTTTTAGGATTCAGGGCTTTAAATTTAGTGTTTATTTAATATTACCAATGTAATAA
GAATGTTTTGTAGTGTATGTAATGGTGGGATAATCTTTTAGCTCTTGCTTGTTTTTGAATAATTTGTTCTGTC
CAGTGTCTGGGTATTTTTTTAGATTGCCATGTGTTAATTTATGTGGTCTTTTCCATGTAACTATATATATT
TTTCTTGTTAGAGTCCATACGATAATCTGTTTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_261 XM_002972175|Selaginella moellendorffii glycosyltransferase-like protein (GT47C7-
1), mRNA

ATTTGAAGAAATGGGTTTCGTCTTTGCTACCAAATTTGCCATTCTTTACAACAAACCATTCTTAATTCCTTCATT
TCTCTGTTTCCTCCATGCCTCAATCTCCACTTCCATGGAGTCTTCTCCTCCTCCACTTCTTCTTACTTCTTCTT
CCAATGGTTTCGTGGCCTTTTCTTCATCCCCACTTGTTTAGCTCTCAATTCCTCCATCTTCATTCTCTCCACATC
TCTTCCACTTCTACTCCTAATCATTTCCCCTCCCAATCCCTTCTCATTTCCCTGATTCTTCTCGCCCCGTTTCT
TCCCTTAATCTTTCATTACAACCTTCGGGTTTCTCAAAAGATCAGTTTACAGGACGACAATGGCGGTCCCCCT
CTGCCTCAGATTCAGACTCAACCTTTTCTCCTTCCCTCATTTGGAAGGGGAAGTCATGAACAAACCGAGGG
AGTGTTCCATGATGAAGAGTTATTTCTGAAGACTACAAAAAATGAACAAAAGCTTCAAGATCTATGTTTATC
CTCACAAAAGAAGCGATCCCTTTGCACGTTCTTTGTTGCCAAAGGACTTTGAACCCCATGGAACTATGCTAGT
GAGAGTTACTACAAAAAATCTCTCTTCAAAAGCCATTTATCACAATGATCCCAAGGAGGCCGACTTCTTTTT
CCTTCCGATCTCAATCACTGGCCTCCGCAATGACCGTCGGGTTGGTGTTAGCGGTATCCCCAACTTCATTGAG
ATTACATCTTCGATGTTAGCCACAAGTATCCATATTGGAATAGAACGGGTGGGGCGAATCATTTCTATGTTGC
GTGCCATTGCGTTGGACGATCCGCTATGGATAAATCAAGTGAAGCTAAGTCAAGCATTTGTCCAAGTTGTTTG
CTCTTCTAGCTACTTCTTAACGGGCTATATTTCCATAAGGATGCAGCTCTGCCTCAAATCTGGCCTAGGAAAG
ATGAACCTCCAAATCTTGCTTCTTCAAAGAGGACGAGGTTGGCGTTTTTTGCAGGAGCAATGAACTCCCCGAC
ACGTCAAGCGCTTATTCAAGTGTGGGGTAAGGATTCAGAAATCTTGCTTATTCGGGTCTGTTAAGACACCTT
ATGCTGATGAACTACTCAGAAGCAAGTTCTGCCTTCATGTCAAAGGCTTCGAAGTAAACACTGCCCCGAGTTGG

AGATTCTATCTTTTATGGATGCGTTCAGTGATCATTGCCAACTACTATGACCTCCCCTTTGGTGATATCTTGAA
TTGGAAGAGCTTTTCGGTTGTTGTAACGACATCAGATATCCCGAGGTTAAAGGAAATCCTCAAGGGAATCAAT
GATGAGCAGTATGCAAGATTGCAAAAGTAATGTATTGAAAGTGCGTAGACACTTTAAATGGCATTCTTCTCCGG
TTGATTATGATACTTTTCATATGGTTATGTATCAGTTATGGCTTCGAAGAACTTCGGTTC

>trans_s_262 EU604829|Glycine max 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase (ACS) gene,
promoter region

TGGATGACGAGAACTCAAGAACTTGGGATGGTCAGAACGTACAACATGGGAAGAAGGGCTGAAGAAGACA
ATTGAATGGTACACCAAGAACCCTGATTGGTGGGGTGATGTCTCTGGGGCTTTGCTGCCACATCCTAGAATGC
TAATGATGCCCGGTGGAGTTGAGAGGCACCTTGAAGGGTCTGAAGAGGGAAAACAGCTGCTTATGCTTCAA
GTAATACTAAAAATGGTTGTCCCAACTTCAGGAATCCAGGCTGTCCTCACCAGTCATCTTTAAATTTTTGATAT
ATGGTAGGACAGGGTGGATTGGAGGCCTTCTGGGCAGTTATGTGATAAACAAGGCATTGCCTATGCGTATG
GCAAAGGGCGTCTGGAGGATCGAGCCTCACTTTTGGCGGATATTGAGAATATTAAACCAACCCATGTTTTTAA
TGCTGCCGGAGTGACAGGCAGACCCAATGTTGACTGGTGTGAATCTCACAAAACAGAGACTATTCGAGCCAA
TGTTGCTGGAACCTTAACCTTAGCAGATGTTTGCCGGGAGCATGGACTCTTGATGATGAACTTGCCACTGGCT
GTATATTTGAGTACGATGCCAAACATCCAGAGGGTTCTGGTATTGGATTAAAGAGGAGGACAAGCCAAATTT
CATTGGTTCCTTTTATTCAAAAACCAAGGCCATGGTGGAGGAGCTTCTGAAAGAATATGATAACGTCTGCACC
CTCCGAGTTCGGATGCCGATATCATCTGACTTGAACAACCCACGCAACTTCATTACCAAGATTTCTCGCTACAA
TAAGGTGGTTAACATCCCAAACAGCATGACCATCCTGGATGAGCTTCTGCCCATTTGATCGAGATGGCAAAG
CGTAACTTGAGGGGCATCTGGAACCTTCACAAACCCCGGTGTTGTGAGTCACAATGAGATTCTGGAGATGTACA
AGAAATACATCGACCCTGAATTCAAGTGGGCTAACTTCACATTGGAAGAACAGGCGAAGGTAATTGTGGCCC
CCAGAAGCAACAATGAGATGGATGCTTCAAAGTTGAAGAACGAGTTCCAGAGATGCTCGGGATCAAGGAGT
CGCTGATCAAGTACGTCTTCGAACCAAACAAGAAAACCTCTGCCTAATAAGTTTTGATCTATAGAACTTAGGAT
TCACAATTGCATTCTGCATTAGTTTATATGTTTATGATTATCACATTCATCTATGATGATGATGTTTCATTTTCA
CTCATAATTAATTGTTATTGTTTCTGTTCTGCTGCTATAGAAGGTGAGATTAGATTCAAATCCACCTGATATGAT
GTATTTTAGAATATATTGTTTTTTTTTGGTCTGGCCTTATCAAAAGCATTATTTTAGGATACAAGAAAACCTGT
AGCCTGCATTGTGCAGAAGAACTGCAAGTTTCAAATCCTATAATTATTGAATGGTATTAATTTTTTAAAAAAG
AANAAAA

>trans_s_263 GU197541|Phytolacca acinosa ARF-GAP protein (AGAP) mRNA, complete cds

ACCCCTTACGAAAAAGATATTAATAAAAAAAAAAAGGAGGGTGGAAGAAGAGAGTTCTGCAAATTTCAATC
ATCCACATCCACGGGGTATTCAACATTCTGATTTTTCTGCCAATCCCTTCTTTTCTCCATTTCTCGTACCCGA
TTGTCTTCAATCATCGATCTCACTGGGATTTGTTGGATGATCGTCTATTACTGGCGGAGCAATGAATAATCGCG
CAATGGAACCTGGGAGGCCTGGCTCAGGCAAAGACGATTAAAGGACCTATTGCTTTAAAGGATAATCGCTT
TTGTGCAGATTGTGCGCTGCAGATCCTAAATGGGCGTCAGCAAATATTGGAGTTTTTATATGCTTGAAATGTT
GTGGTGTTTCATAGAAGCCTCGGTTACATATATCTAAGGTGTTATCAGTGACTCTGGATGAATGGAATGATGA
TGAAATTGATGCAATGATAGAAGTTGGAGGAAATTCTTCTGCAAATGCTATTTATGAAGCCTATATCCCGAG
GGATATTCCAAACCTGGACCTGATGCCACCCACGAACAACGTTCAAAATTTATTCCGGTCCAAATATGAACTTCA
AGAATTTCTGAAACCGAGCTTGAGAATTTTATCATCCAACCTGACAAAAGCAACATCCAAGCAAGCTTTTCTA
CAAAGATCATGAACAGCTTTCGTACGAATTCTTCACAAAACCAACATCACAGGAAGGTATGGTTGAGTATAT
TGGATTATTGAAGTCAAAGTGATTAGAGGGACAACTTGGCTATAAGAGATATGATGTCGAGCGATCCTTAT
GTAGTCATGACTCTTGACAACAGACTGTCCAGACAAGTGTAGTCAGGAGCAACTTGAATCCTGTGTGGAATG
AGGAACTGACACTTTCTGTACCTCAAGGTTTTGGATCTATAAAGTTGCAAGTATACGACTATGACACATTTTCA
GCAGACGACATAATGGGAGAAGCAGAGATTGATCTCAACCCCTTGATAACATCCGCAATGGCATTGAGAT

GCTGGAATGTTCTCAAACATGCAAATTGGTAAATGGCTGAAATCGCACGACAATGCTCTCATAAGCGATAGCA
CCGTTAATATTGTTGATGGAAAGGTGAAGCAAGAGATAGCTCTCAAGCTTCAGAATGTGGAATCAGGAGAAC
TAGATCTAGAGCTAGAATGGTTGGCTCTTGAACAATAGGTACATATAAATCCATCCCAATTTTATTAAAATATG
AGTGGTTAGTTATCTGGTATAGTCATTCTTATAGAATGGTATTGTGTATTTTTTTCTTCTTTCTTTATTTGTTTT
CTTCTCTATATTGGGCTGAAATTTTTGTCTATCCATACTTTGTGGTCAGTAGTTGTAATTCTTTATATTCTCAAA
ATCTGATCACATACTTTCACTTGGTTATAAACTCCAATGAGATATGATGGCTTGAAAACATTGGAGTTGAAA

>trans_s_264 AF196289|Medicago sativa subsp. x varia Ser/Thr specific protein phosphatase 2A B
regulatory subunit beta isoform mRNA, complete cds

ATATCAACTCCATCTCCAATAATAGTGACGGAGAACTTTTTATATCAGCCGATGATCTGCGGATAAATCTCTGG
AACTTGGAATTAGCAATCAAAGTTTTAATATTGTTGATGTCAAGCCTGCTAACATGGAGGATCTGACTGAGG
TGATAACGTCTGCAGAGTTTCATCCTACTCATTGCAATATGTTAGCATACAGTAGTTCAAAGGATCCATCCGC
TTAATTGATTTGCGGCAGTCAGCATTATGTGATTCTCACTCCAAATTATTTGAGGAGCAGGAAGCACCTGGTTC
TAGATCCTTTTCACTGAGATTATTGCCTCAATCTCTGATATCAAGTTTGAAAGGATGGAAGATACATTCTTA
GTCGTGATTACATGACTCTCAAGTTGTGGGATATTAATATGGATTCTGGTCCAGTTGCAGCATTTCAGGTTTCAT
GAATATTTAAGACCTAAGCTGTGTGACCTGTATGAAAATGATTCAATCTTTGATAAGTTGAGTGTTGTTTGAG
TGGAGATGGATTGCGAGTAGCTACAGGCTCTTACAGTAATTTATCCGTGTGTTTGGCTGTATATCGGGAAGT
ACAGAGGCTACAACCTTAGAAGCTAGCAAAAAATCCAATGAGGCGTCAAGTTCAGACCCCTTCAAGACCTGCCA
GATCTCTGAGCAGTAGTATAACACGAGTCGTAAGACGAGGAGCAGAGAGCCCTGGGATTGATGCAAATGGA
AATTCCTTTGATTTACAACGAAGTTACTGCATTTAGCTTGGCACCCAACTGAGAACTCAATTGCCTGTGCTGCT
GCTAACAGCTTGATACATGTATTATGCGTAAACGTGGTTTAGCAAGAGAACGCATTTTGCTTGGTCGACTTTCTC
GAGTTTCTCTTGGAGAAAATTATTTACCCATTTCTTCCAGCCATTGATTCGGAAGCTTTGCAAGTACTCAAGAC
ATCAAATGACGTACCTGAAGACTTGTTGAATGTGCCTTTGGTATCCCGGATGCAGAGGTGGCTGCCACCCAA
AACCTCCACAAGGTTTATGTTGATTCTCTGCAGTGGCTGCATCTCATTTTACTCCTCCCTCCCTCTTTCTCAAC
CCCAACTATTTAGTTTCTTCTTCACTCTTTTCATTTCCCTGCATCTTCTGAAAGAGAAGATGTAGTTATGTTTCA
GATTGTTTTGGGTTGGAGCCATGAAGGAAAAAAGAATGTGATTGTAGCTCTCCTACAACAAATACTATAAAC
GAATGTTCAATATTTGCAACAACCGCAACTAGGTTTAAAGATTACGAGGAAAAGGAAAATGTAGTTTTTATTCA
TAATCTTGTTGGGATGAACTTTTGATAAACTTACACAGCATCATTTTTTCATTGATTCTTGTGTGACTGAGT
GGTATTTATTTGACCATCATTTATTAGAATTCACTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_265 NM_001074898|Oryza sativa Japonica Group Os11g0645200 (Os11g0645200)
mRNA, complete cds

AGAAGTCCCCCTGCCTGTTTCATCTTTCTTCTGTACGATGCCGGTTCCTCTCTTCAATCTTGCTCCGAATCTCACT
GTTTCAAGGCTCTGCTTTGGTACCATGACGTTGCGCGAACAAAACCTCTGTGTTTCAGTCATTTACCTCCTTGAC
CAAGCTTTGATGCCGGCATCAACTTCTCGATTCCGCAGAAATGTATCCAGTGCCTCAACGTTCTGAGACTCA
GGGCCGGAGTGAGGAGTACCTTGGCCATTGGATCAGAAGCCGAAAAATTACTCGGGACCGTATTGTTTTAGC
TTCAAAGGTTGCCGACCATCTGGGCAATGACTTGGATACGAGGCGGACCAAAGTGTGGGATACTAAGAA
TATTACAGAAGCAATTGATGCTAGGTCTATAGTGTGAAATCACGTATTTTCACAGATAGATATCAGGGATAAA
TACATTTTCTGTCTTGAGCTTAAAGCGACTACAAACGGATTTTCATTGATTTACCAGATTCATTGGCCTGAT
CGGTTTGTATGTTCCAATGTTTGGAGAACTGAATATAATCCATCCTGGCAATACTCATCAGTTACAATAGAAG
AGCAACTATTTGCGCTCAGCAAGGCTGCTGATGCTGGTAAGATCAGGTATATTGGCCTCAGCAATGAAACACC
TTATGGTGTTATGAAATTTGCACATATTGGTGAAAGATATCCCCACGTTCCGAAAGTGGTTTCATTGCAGAATT
CGTACAATTTGCTTTGCCGAACCTTTGATTCTGGCCTAGCTGAATGTTGTATCATCACGAGAGAATCAGCTTATTA
GCATACAGCCCTTGGCGATGGGCATACTTTCTGGGAAGTACTTTCTCCTGAAGGCGTCTGCAGATGCTC

GACTTCATCTTTTCAGAGGAAAAATATTTAGAAGGGGAATCTAGATATAACCTAAACAATACCGTCATCAGAAC
AGCTACCATGGACTATATTAAGGTTGCTAAGAAATATGGCCTTCATCCAGTCTCTATGGCAATTGCCTTTGTTCT
CAGGCATCCCCTTGTAGCAAGTGTGTTTTGGCGCTACCAAGTCATGGCAACTCTTGGATATTCTAAATGCAA
TTAAGGTTGAGCTCACACCTGAAATGATTTCTGAAATAGACGAAATTCATTACGGTTTTCCAATCCATGCCCT
TGATTTGGATTTTAAACAAGCGAAGAAGCAAATAACTCAAGTTTTCTTCTCCTCCAATATTAGATGCTGTCTTT
TAGAAAATCATATTTGTGTAAGGTTGCATTGTCAGATAAATGTGACTTTTAAAACGGAAAAAAAAAAGAGGAG
GTTTTCTCTCCTCTAGTAAATCTAAGTGAACCTAAGGAAAGCAGCGACCTTTAGTTAAAGGGCAATTCTAACTTT
TTGATAGTCAATAATTGTTTCATATTTATGATTTATACAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_266 NM_001066987|Oryza sativa Japonica Group Os07g0645100 (Os07g0645100)
mRNA, partial cds

TGAATCAAATGTTTGACAAGCACAAGGAATCAAGACGCCGCACTTATGTATTCATACTCCAATTATAATCCCT
GTTTGGTCTCAGGTGCGCATGGTGGGAAGATGATTTGATGTATAGCACTTTTCTTGAGGTGTATGAAAATCACT
GTGCAAGGAACGACCAGGAGGCAGATCTACCAATTACATATTTCAAAGAGCAATTAAATCAAGCGATATCTG
GTCAAATTTTGCCAGAAGCGGTCGTAGATCTTCGCCTCCAAGCTTTTGGTGATATAACAAGAAACCTTGTAAC
GAGGGCATATTTTACAGTACATGTATAAGACATTACTCAGTGGAACCCACATGTGGGCTTTTAAAAAGCAGT
TTGCCATCCAATTAGCACTTTTCGAGTTTTATGTCTTACATGCTACAGATCGGAGGAAGGTACCAAACAAGATT
TATTTTGCTAAGAACACGGGGAAAAATTTTCAAACAGATTTTACCCTGCATACGATGCAAATCGTATGATCGA
ATTCAATGAACAGTGCCTTTTCAGGTTAACCAGGAATATGCAAGCCTTCTTCTCAAATTTTGGAGTGGAGGGCT
TAATTGTTTCTGCCATGTGCTCTGCTGCTCAGGCAGTTGTTTCACCCAAGCAAATCAGCATTTGTGGCATCAA
CTTGCCATGTTCTTCCGTGATGAATTGCTATCATGGTCTGGCGAAGACCCCTCGGTATGCCTTTAGCATCCATT
GCAGCTGGTGGTATGAACCCTGCTGACTTCAAGCAGAAGGTCACTACCAATGTTGATCTCGTCATTGGCCGGA
TTAATGGAATAGCACCTCAATATTTCTCCGAGGAAGAGGAGAATGCCATGGACCCGCTCAGTCGGTACAAA
GGGGTGTGTCAGAGCTGGTTGATGCTGCCTTGAGCCGAAGAATCTGTGCATGATGGACCCACATGGCATC
CCTGGTTTTAATTAAGGTACAATCCACAACCTAGGAAACAGGAGAGAAAGGTTAAAAATTTTGCATACTGATAT
TTGGGGTCTGCTACTAACATATTATTGTTGTGCATAGTTAATTGTGAGTCCTTGATAACTCCTCTTGACCCCTTG
ATATTGTAGATGATTACTAGAGTTGATAGGCGAGATCATCAACATTTGCCAATCTTGTTTCCATTTGTATGTA
AAGAGGTAAGGTTTTTGTATATTGTGGGTCTATGATGTCAATTCTCACATCGTTCCAACACCAAATGTTCACT
TTGTTCATAGTCACATAGAACAGTGCACTACCGACGCCTTAAGGGTCATGAAAATACTAAAAATATCAGTTA
CTGATTTAACTTAGTAGCTAGCGCTCTATAAGTATTGACTTATTTTCTCGTGCTTTCTGAAGCGTTCAGAGTCTT
TCCAAGGGATTCTGTAATGTAATTCAAGTGCTCTTCTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_267 AY050458|Arabidopsis thaliana AT5g15400/T20K14_10 mRNA, complete sequence

AAGTCCAGAATATATTAGAAATCCTTACTTAAGAGCAAAGATGGTTGAAGCTCTGAACTGCTGGATTCTCGT
AGAAGTGGTTCATCTGTAACGGCAACACTATTTGAAGGCCACCAACTATCGCTTGAGTATCTTGTTAGGAATCT
TTTAAACTCTATGTAGACATCGAGTTTACTGGATCACATACACAGTTTTATGACAAGTTTAAACATCCGCCATA
ACATTGCGGAGCTTCTGGAATACCTTTGGCAGGTTCTAGTCATCGCAATGCTTGGAGAATGATTGCCAAGGA
AGAGGAGAAGGGCGTTTACTTGAATTTCTTGAACCTCCTAATCAACGATAGCATATATCTTCTTGACGAAAGTC
TTAATAAGATTCTCGAACTTAAAGAGCTTGAAGCTGAAATGTCAAATACTGCAGAATGGGAACGGCGACCTGC
TCAAGAGAGGCAGGAAAGAACTCGGCTCTTTCATTCCAGGAAAATATCATCCGAATCGATATGAAATTAGCA
AATGAGGACGTGAGTATGTTGGCATTTACTTCAGAGCAAATCACAGCTCCTTCTCTACTTCCAGAGATGGTCG
AAAGGGTGGCCAGCATGCTTAATTATTTTCTTGTCAACTTGTTGGTCCTCAGCGAAAATCTCTTAGTCTGAAA
GACCCTGAAAAGTATGAATTCCGTCCAAGAGCGTTGCTTAAGCAGATTGTTACATATATGTTTCATCTGGCAA

GAGGCGATACGGAGAATATTTTCCCAGCTGCCATTTCAAAGGATGGCCGATCGTACAACGAGCAGTTGTTTAC
TGCTGCAGCAGCTGTACTTCGACGTATTGGAGAAGATAGTAGGATAATACAGGAGTTTACTGACCTTGGTAAC
AAAGCCAAGGATGCAGCTTCTGAGGCAATGGATGCTGAAGCTACTCTAGGAGATATACCTGATGAATTCCTCG
ACCCGATCCAATACACATTAATGAAGGACCCTGTGATCTTACCTTCTTCGAGGATCACTGTCGACAGACCCGTC
ATTCAAAGACATCTCCTCAGCGATAGCACCGACCCATTCAACCGGTCTCATCTGACCGCAGACATGCTAATACC
GAACGAAGAGTTGAAAGCAAGAATCAAAGAATTTATTAGGTGCAAGAACTGAAGAAGCAACTAGATGGAG
GAGGGGTTGCAATGCAGAGCAGCAAGGCAACCATCCAACCCACAAGTGGAGAAATGTTGATTGATTAAAATT
GATAAATAACTTAATTGTTTGTATCTTATGATTTGGCAACGAAATATTTTATGAAGATAATTTATATTTGAGAA
TTAATATTATTTTCTTTGGGCACTATTCAGTGCTTATTGCCTAACCTTGTAAGTTGCAATATTTGAAAATAAAAA
TCTTCAACTTATAAAGAAATCAGTAACTGGGAGATGGTCTAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_268 EF194047|Populus tremula x Populus tremuloides xyloglucan
endotransglycosylase/hydrolase precursor XTH-38 mRNA, complete cds

TTCATCAATCTCTGTGATAAGGATATGGGATTTTCCAGAGTAATAATGGAATTGCCTCTTTTGAGCTTCATCTTT
TTGTGCATGTTATTTGCTGTTCTTCTTGTAGTAGATATTACACGGCTCCGAGCGTCCACGTTTGACGGATCTC
GTTCTCTGTGTCTCAACAGATCAATGCTTTGCTAAGATTTTTGGGGCCTCGAATATCCAAGTGAAGAAATAATGG
GTCCTCTGTGATCTCACTCTCGACAAAGTTTCTGGTGCTGGTTTGGTCTCAAGAAACAAATATCATTATGGAT
TTTTCAGTGCTTCAATCAAGCTTCCATCAGGTCTCACTTCAGGGGTTGTAGTGGCTTTTTATTTGTGCAATGCAG
ATGTTTATCCCCATTACATGACGAGATCGACATAGAGCTATTGGGGCATGACAAGAGAAAAGATTGGGTTAT
TCAAACAAATATTTATGCCAATGGAAGCGTTAAGACTGGAAGAGAAGAGAAATTCTACCTTTGGTTTGATCCC
AGCGTGAAGTACCATGATTACCCATCATTGGAACAACTATCATACAGTGTTTCTGGTGGATAACGTTCCAGT
CAGAGAGCTGCGAAATTCTGAAGTGTCTATCCATCAAAGCCTATGTCAGTTTTCGTCACAATATGGGATGGTT
CAGAATGGGCAACTCATGGAGGAAAATACCCAGTTGACTACAAGCATGCACCATATACAGCTTCTTTTGAAGA
AATGGAAATCAATGGAGGTATATTAACACCAACAGCAACTGTTCTTCAGGTTCCAAAGCCAACGTATCGGGC
CCAGATACCGTAGAGGGTCCAGAATTTATCGAGCTATCGCAGCAGCAAGTAGATGCAATGGATTGGGCAAGG
AGGAAGCTCATGTTCTACTCCTATTGCAAAGATACATCTCGATACAAAGTTCTACCACCAGAGTGCAAATAGAT
GTATTTTCTATTATTAAGATTCTTTCATCATAAATTCTAAGTTAGGAATAAAACGGGTATTGTAAT
CTGGTATAGAGGAATCATTAGGGAACCTCCAAAGTAAGACATGGATGAAAAGCGAAGGAAGATGTTTGTCTT
TGTGCTCTCTTGTGTTTTTTTCACTTTCTTTATTTGAAAAAGAAAGCCTTTTCCCTTTCCCTTTCCCTTTCCG
TATATGGGGAAATAAAGGCGCTGGCTTATTTGGTCCATGAGGCCAAAAAAATTCAGTGTGAGAGATGCACG
AACTGGATCCCACTAGACAGATCTAGACAAGGCAAATTAATCTTATCTAGAAAGATGTGCCAAAGACAATGCG
AGACATCTCACGTGGGGATGGCAACGCCATTTGTTTCAGTGTTTTGGACTTCAAAAAAGACAAAGATGCTGG
TCAATGACAGAAAGGGAGAAGCAAACCTCCACAGACGAGTTTCATTGGAGCCGTCAAAAAGGAAGAATTT

>trans_s_269 XM_002885931|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

AACCCTAAACCACTTCATAGCGGAGATTCTCATATCCCCGTTCTCAATGGAGGTGGCGGTTCCGGTCTCTCC
TGTCGACTTCAACTTCGACAGCGCTTGCTCTTCTCCTTACATGACCGCTCCTTCCAGTCTCAGCGCTTCGGCAA
CTTCTTCTTCTCCAGCGCTCTACTTCTCCTTACACGCGCTGCATTCTACTACGACTTCAACGACTTTGATTCT
GCCTATGTCGACGGAAGGACTTCTTCCGCCTCCGAAATTCCTTTCCTCTGGGAGGACTTGCCTGGAATTGTGAA
ATCTGGAGGCGATGCTTCTAGTAGTGTTGCTGATGACGATTTTCAATTGATTTCACTGGACAGTTGGAACGG
ACTTCTTTGTCGGCTGATGAGCTTTTCGATTGCGGTAAAATCAGGGCTCTAAACCTCCGCCGTCTAATCGAGT
AACTGATTCCATCTCCTCATCCCAGCATCCTCGAGAACTGCTCAGGGAAAGAGAATAGCTCAGGAAGCGCTG
TCTCCTCGTACCACCGCCGGAGAGATACCGATTATTGGAAGAGGCTCTCAAAGCAACGACACAAAGAAAC

>trans_s_270 XM_002888233|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* glycosyl hydrolase family 17 protein, mRNA

>trans_s_271 NM_122766|Arabidopsis thaliana calcium-binding EF hand family protein
(AT5G28830) mRNA, complete cds

ATCCAAGTAAACTCTTTTCATCTCTCTCTCTCTCTCGAGATTTTTCTTCTTCCCACCAAAAATGTCAGAAGGC
CCAATAACCGTCCTTGACGGCACACACCTAAGAGACATTGACCTTACTCCCCACTTCTCCGATGCTCTTCTCACC
GGAGCTCATCTCCTCGACCTCGCCGATTCCACTGTCTCCTCCTCTCTTCCGGATCCCCTTGCCGGAGGCTCTC
AAATCATCTGCTCTCAATATCATCGGTCTCCACGACATTGTTGCTTCCGACGATCCGAGCTCACTCCACAACGA
GCCTCTGAGATTCTCAAGGACTATGTGTCTGCGATTGCCGATATTTTACGAGATGATCCTCTTTTAGTATCAATT
TTGGATGGGAGCACTTTCGCGATTTTCTTAGATGATGAAGATGATTTTGCAATGCTAGCCGAGACTCTTTCAC

TGATTTAGATACAGAAGATAAAGGAAAGATCAAGAAGAGTGAGATTAATAATGCTCTTGCCACATGGGGGT
TGAAACGGGTGTACCACCTCTCTCAGAATATCCTTTGCTGAGAGACATTTTGCAAAAACATGAAGTGGAGAGT
AGCACTGAATTGGGTCAAGCTCAATTTGCAGAAGTGCTTCAGGCTGTCCTTCAAGAGTTGGCAGATGCTCTAG
CAAAAAAGCCTTATGTTTTATTCAAAATATCAAGATCACTAATGGAGCTCACATTAATAAGCTTTTGGCTGAC
AAAAAGCAATTCACGATGTCATAGAAAAGCTCTGGCAGTGGCAAGGAACCTATAAAGAAGAGAATGGGGT
AAAAACTTTGCAAAAAATCAGGAATTACTTCGAAAAAAATGGAAGGAAGTGGGCTTACCACCACCTACAGA
AACCAATGAAGCCGTGGTCTTCTCTATGATGAAATATTTGCTGATATAGCGAAAGAGAAATGTTGTTCAATA
ACTGACAAAATTCAACTTGAAAACTTGCAAAGGAGATTTTGGAGATATTTGTGGAGCAGCTTGAAGCAAGTC
CTGTGTATTATGATGATTGGGAGCACAAATGAACAAAAGGTGGCGACCGTGTAAAATCAGGAGCTCGGATTG
TCAGTTAAAGAATTGGTTGTTTCTACGATACAATCATCATTCTTATGATAAGGTACGAGCATTTAATGGTAA
GGTAATTATAATATTGAGATCATAGTCATTTTCATTATACCATACTGAATTTGAAGGTCCTTGATCATAAGGTG
GCCAACAGGTTCTATACCATGACATACAAAATCAAAGTATGAAAATACATCATTTTGGTTATGCTTCTTTTGT
GTACATTTTTTTTTTTGAGGAACAATTTGTAATCCTACTGACAAAATTCTCGTGCTCCTTAGTGAAGTTTTATCT
GGTGGGATCAAATGGTCATCTAAAATTTGAATTTGGAGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_272 XM_002878111|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S2, mRNA

ATCAAACCTAATCTCAATAACCCCATATATAAATTCCTTCTTTAGGGTTTTTTCATCCTCATACACTCTCAAA
CCTCCGGTCATTCTCATTTTCCCTGCCGCTTCTTCAATAACCTAATCATGGCTGAACGAGGAGGAGACCGCGG
CGGCTTTGGCAGAGGCTTCGGTGGTAGAGGCCGTGGTGGCGACCGTGGCCGTGGACGCCGTCTGTCTGGCC
GCCGTGACGAAGAGGAGAAGTGGGTTCCAGTCACCAAGCTTGCCGTCTTGTCAAGGAAGGTAAAGATTCAAT
CACTGGAGCAGATTTACCTCCACTCTCTCCAATCAAGGAGCATCAGATCGTTGATACTCTCATTGGCCCTAGC
CTCAAGGATGAGGTCATGAAGATCATGCCTGTGCAGAAACAGACCCGGGCTGGTCAAAGAACTAGGTTTAAG
GCCTTCGTTGCTGTTGGCGACGGTAATGGCCATGTCGGATTGGGAGTTAAGTGCAGCAAAGAGGTGGCGACT
GCTATTCGTGGCTCGATTATTTGGCTAAGTTGTCCGTGATCCCTGTTAGGAGGGGTTACTGGGGTAACAAGA
TTGGTAAACCCCATACTGTTCTTGCAAGGTCACCGGAAAGTGTGGCTCTGTCACCGTACGTATGGTCCCTGCT
CCTCGTGGTGCTGGTATTGTTGCTGCTAGGGTCCCAAGAAGGTGCTTCAATTTGCTGGTATTGAGGATGTTTT
CACTTCTCAAGGGGATCCACAAAGACACTTGGAAGCTTTGTGAAGGCTACCTTTGATTGTCTATTGAAAACCT
ATGGTTTCTGACACCCGAGTTCTGGAGGGAGACTCGCTTCACCAAACTCCATTCCAAGAGCACACCGATCT
GTTGGCTAAACCGACTGTAAAGGCGTTGTTGTTGGAGGATGCCGAGAGGGTTGCTGCTTAAGTCTGCGTAGA
TTTGGTATGCTTTTGAATCGAAAAGAGAAGAATGTTTTGTTAGGACAACCTCTATAGTATATGCTTTTCACTCT
GAGTTCATTTACTTTCAAGGATAGTGTTATTTATTTCTTATGGGTACTTGACTCTGTTTTTTGTTTCTGAATT
CAATGGCATAAAGCTTGATTTTGAATGCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTTGCCAAAG
CTTCTCTGCTTGTGTTAGTCTTTGACTTTCAATTTGCAAGCAGCATTGTTGAGGTTGCATGAAATCTTTAGTGC
CTTGCTCTGTTGCTTCTCCTCATCACTAAAGGAGGTATCATATTCAATGTAGCGAACAGCCTTTTCATATCTTCT
TGATGCTCTCTCATATTTCCAGCTTTGAATAGAACGTTCCCTCTTCTTTTACCTGCTGCTTCTATTTTCT
CTTCTGCTTTGTTCAAGTCCCAAGATTCTTTTCTTTGACGAATGAAACCAGCTCAACTTCGTAATGT

>trans_s_273 NM_001051157|Oryza sativa Japonica Group Os01g0817100 (Os01g0817100)
mRNA, complete cds

TGAGTCAAGTCAAATCTCAAACCTCTTCTCCTTTTCGGTCTCTCACTTGTTGCTCTACCTTACAAATCTCTCTT
GCTTCTCTTATTATTCTGCTGATTCTTCCATCTTCCCTTTTTTGGTCGTTACCGGCGCCTCTTTGTGAACCA
TCGTTTTTTTCTATTTATTCCGGCTGTCGTTGCTACTTTTCAACACAAATTTCAATCCAGTGTATCTAGCCGAAGT
ACTTTGATGCCCATGGCCCCCTAGTGCAATTGGCTTTCTAAGCCTACACCGACCTTTCCGGAAAATTTGCGGG
AATTGCACATTTGCTTCTGGCTCTTGTGTACATGACTATCTCAGACGCTTCCGGTCCGAGCAAGGAAGTCTAT

GGCTGGCTTCGGTCTTTCTGGCATTGTTTTCTGCAAGATTGTTTACACGTTAACAGGCATCATTAGCCTCCAAA
GCTTTAAAGCATATGTCAAACCTAAGCAATTTTGGAAAGGTTGAATGGAACAATAGGGGATTTTCAACATTCCA
CGCCCTTGTTGCAGCATCTTCTTCTTTACCTTGTTCTGTTTTCAAGTACTTTTGATCCAAGTTCCCGTAATGAG
CTTCTTATAAGAAGATCATCCTCTTTATCTGATATGACATTGGGGTTCTCCATTGGCTATTTTCTATCAGATTG
GCAATGGTCTTTGGCTTTTCCAGCTTTAGGTGGTTTTGAGTATATCGTGCATCATGTTTTATCACTGTTCTCA
ATCATTCAATCCCTCCTAAGTGGCCAAGGACAGGTTTATATACTAATGGTTCTTTTACAGAAAGCACAACACC
ATTTGTAAATCTTCGATGGTACTTGGACAAATGCTGGCCAGAAGAATTCAAACCTCTACGTCATTAATGGAATTG
CATTGTTTCTCGGGTGGTTGGTTGCCAGGATTCTCTATTATATATTTTTTCGGTCACATGTTTAAACATTTCGA
CCAGGTGAAAACCTGTATATCCTTTGGGGTTTTATAGCTTGCTGGCCGTGCCTCCCAAGGTGGCTATGATGAAT
GTGTTTTGGTTTTGGAAGATCGCTAGAGGAATGATCAAACTCTCAGAAAAGCAAGGCACAGCAAATGATAG
GTCTTTTTTAACCTGCTGCTTCTTTGTTTGTCTTGAGTATGTATGCTATTTAGTTGCTAAACAAGCATAACTA
GTATTAGTGTTTGTACTAAAGAAAAAAGGAAAAAGAAAGCTATTTAGTTGCCGACATGTAAAAGGTATAAACG
TCGTTAATTTTAGGTACAAGAATGAGTATGCTTTTGGTGGTTAAACGTCGTTAATAGTTTAATTATTGACCAAC
GATACTTTTTATTCAATTAAGATTGTGTTTCTTTGGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_274 XM_002867484|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT4g26990/F10M23_330, mRNA

AAGCATTTACGCAATACGCATAGGCATAGGCACGTAACGCAACAGCCAAAAACAACAACAACAACAACA
ACAACGAACAACCTTTCTTCTTCCATTCTTCTTCTTCTTCTCCATTAGATCTCCTTTCTTCTTCTTCAACTCCGCC
ACCTTTTCCCATCTGATCCCCATCTCTCTCTCTCTTTCACAAAACCTGGCATATGGGTTGCCGAAACCGTGA
CTTTTCAGAAGATGAACTTCTCTTCCACCCTCAGCGAAGCCCTTCTCTCGCTACCATGTGCCTCATTGGACT
TCCCGTTGAAGTTCACATCAAAGATGGTTCTGTCTATTCCGGTATCTTCCCACTGCCTGTGTGACAATGAAT
ATGGCGTTGTTCTGAAGAAAGCAAGGATGACAAAAAGGGTAAAAGGAATGTGAATGTGGATGATGGCGTT
GTAATCGATACTCTTATTGTTCTTTCTGGTGATCTTGTTCAAGTTGTTGCGACGGAGGTTATACTTCCGGCTGGT
AGTTTTCCCAAAGTTTGGCTGGTTGTGATAACGAATCCAAGGCCAACGATCCTACTTTGTTGCATCCAACCTAC
AGCAGCTAAGACATGTACAGAGTCATTCAAAGAGGGGAGTCAGGTTAATCAAACAAGTGACCTGGTGAAGA
TCAAATGGGTTTGCTCGTAGTTCAGCGCCTACTGTAAGTGGGAAGCTAAATGATGTTAGACAACCTGTTGCAA
GATAATGCTGAGAACAACAGGGAGATGGACATCAAAAAAGGGAAGATAAATTGCAAAAGCTTGAAGA
TGTCTCCGATGCTGGAATCAATTGGAGACAGGACTCAGATAACCAATTGAAAAAGGAGCAGGATGATCATGG
TCAGGAATTTGACTTGCAAAAAGTAGTCAATGTTGATCGAGTTCAATCCTCTTTATCAAGTGAGAAACCCAGCA
CTGAAGGAACCATCTCAGCTATCACTACTACGAATGCATTTTCAAGTTGGTGTCTCAACTTCTTACATTCGTCGTG
TGGATAGTAGCATGGACTCTTGTCATAGTTCTATGTCGTTGACTAATGACATCACTCCTTCTCATAAGGAGTTC
AAGCTCAATCCCAGAGCCAACTCTTCTCTCCATCAGTTGCAAATAGCATCTCAGCAACTCCTGCAGCTCCAGT
GGCTGCAAATGTGGCTTATATTCCAAACAACCTACCAGTTCTACCTGTGCCTGTGCTCAACCAGAGGTGGAG
TTCAGTCCTTTTGTACCTCGTTCACCTGTGCCTCCACCAAGTTTGTCCCATATGGAACTCAATAGCTGGTTTT
GGTGGCAACGTTCTCAATTTTCCAACCATGGTGGGACATGTGGGAACCAGGACGCAGCCACTCAGATATGT
TAGTCAGTATCCCTCCAGGCTGGTCCAACCTTTGGGCCCCCAATCTTTCGGCAGTATGGNTTGGTC

>trans_s_275 BT026476|Arabidopsis thaliana At3g55070 mRNA, complete cds

ATTTCCATTCTACCTTCTCTCCAATACAATCCAAAGTTTCTCTCCAATCCACGTCTCTTTGTCTATGGAGGTG
ATTCCATTCCCAACGGCTCCGCCACTGAAACCGACATGCCAATACCGCCGCCGCCGCCGAACAATCACTCCT
ACACCCTCCAACCTTACCGGATTGGCGGAGACTCTAAAGCTGGAACATCAGTTTCTTAGGGTTCCATTTGAGCA
CTACAAGAAGACGATTCTGTCTAATCATCGCGTTGCTGAGAAAGAGGTTTCTGCTGTTATATCCAGCGTCACT
GAAGCCGCCGATCGCGATAATATGTCGACGGAAGAAGCTGTACATCACTTCAATTCATTGTATCAAGATTGC

AGGGGTTGAAGAGAAAGTTGGAAGAGGGCAGTCGCACTGAGCAAATGCAAGCACAGAAGTGTCGTGCTAGA
CTAGTTCATTTAGAATCAGCTGATGCTGATAATTTGGCGGAATGGAACAGCACACGCTTGAAAAGGATCCTTG
TAGATTATATGCTTCGGATGTCATATTTGAGACTGCAATGAAGTTATCGGAGAGCAGCAATATTCAGGATCTT
GTTGACATTGATGTCTTTCAAGAAGCCAAAAGGGTTATTGATGCCCTTCAGAATAAGGAGATAGCACCTGCAC
TTGCCTGGTGCCTTGACAACAAGTCAAGGTTGAAGAAGTCCAAGAGCAAATTTGAGTTCCAAGTGGGCTTCA
AGAGTTCATAGAATTGGTACGAGGTGACAAGAATATGCAAGCTATTGCATATGCACGAAAGTATCTCGCTCCG
TGGGGAGCTACCCATATGAAAGAACTGCAACGTGTCATGGCAACTTTGGCTTTCAAGAGTAGTACAGAGTGT
GCCGTATACAAGGTCTTATTTGAACCAAAGCAGTGGGATCATCTTGTGGATGTGTTTAGACAAGAGTTCTGCA
AAATATATGGCATGACGCTCGAGCCATTGCTAAATATTTATCTGCAAGCAGGCTTATCTGCTCTCAAAACACCA
TACTGCTATGAGGATGATTGCACCAAGGAGGACCCATTATCACAGGAAAGTTTATAGGAAGCTGGCAGACCCA
TTGCCTTACTCGAAGCAGCATCACTCGAAGCTTGTGTGCTACATAACGAAAGAGCTCATGGACACCGAGAACC
CACCTCAAGTCCTTCCAAATGGTTATGTGTACAGTGCCAAGGCTCTAGAAAGAATGGCCAAGGAAAACAGTG
GTAAATCACTTGCCCAAGAACAGGCTTTGTGTGCAACTATTCAGAGCTGATGAAGGCATACATATCATAGAA
CTTGCAATATATTGGTAAGTGCAAATCACATTCCTATCATCTTTAACACTTTGGTTCTTTACTAGTGATTATCAA
TATGGCCCCATGAGTTTATGGAAATTGATATTCATTGTGGGGTGAGGGGGAGGGGGGCGAATATTTTTATA
AAA

>trans_s_276 EU189948|Medicago truncatula SINA4 mRNA, complete cds

ACTTCAGAGACCTGGCAAAGAGAGGAACAGCACAAAGGGGGTAGAGACGACGAAGAAAAGAACCTCATCTTT
CGGGTAAAAAAGGGTTCTTTCCCTTCCATTGATCTACCCCTTTCTCTTTCTGCCTTCTTTACGAATCCCTTGT
GGGAATTAACAAGAGGGTTCTAAATCTTGATCGGTTCTTTGTTTTGGCTTAGTGGGTTTGTCTTAATTTCTAC
AGATTTTGTGTTTTTGTGAATGGATTTGGATAGTATTGAGTGTGTTTCATCTTCAGATGGTCTTGATGAAGAT
GAGATCCATCTGCATCATACTCTTCATCCTTATTCTCTTTCTCACCATCATCCAGAGTTGTCAGCGACCAAGCCT
CGTAATGGAAGCAATAATAGCGGTATAGCAGTCCCCACTGCGACTGCACCTGCTACTAGCGTTTCATGAATTGC
TTGAGTGCCTGTTTGTACCAATTCTATGTACCCCCCATCCATCAGTGCCACAATGGACATACCTTATGTTCTA
CATGTAAACACGGGTTCTAATCGTTGCCCTACTTGTAGACAAGAGCTTGGAGATATTAGGTGCTTAGCATT
GGAGAAGGTGGCAGAATCACTTGAATTGCCTTGCAAGTATTATTCATTGGGGTGCACTGAGATATTTCCATAC
TACAGTAAGCTTAAGCATGAGGCATTGTGCAACTACAGACCCTATAGTTGCCCTTATGCTGGGTGCGAATGCT
CTGCTGTTGGGACATTCCTTTCTTGTGCCCATCTCAGGGATGACCATAAGGTGGACATGCACACTGGCTG
CACATTTAACCATCGCTATGTGAAATCCAATCCAAGGGAAGTGGAGAATGCCACTTGGATGCTTACTGTTTTTC
ATTGTTTTGGTCAATATTTCTGCCTTCACTTGTAGGCTTTTTCAGCTTGGCATGGCTCCAGTGACATGGCTTTCC
TCCGTTTCATGGGCGATGAGAATGACGCCCCAACGTACAGCTACAGTCTCGAGGTTGGTGGATATGGGCGAA
AACTGATATGGGAGGGTACACCACGAAGTATTAGAGATAGTCATCGAAAAGTTAGGGACAGCCATGACGGAT
TAATTATCCAAAGAAATATGGCTCTTTTCTTCTCTGGTGGGGACAGAAAGGAACTGAAGCTGAGGGTTACGGG
AAGGATATGGAAGGAACAAAACCCGGAAGCTGGTGTGTCATACCAAACCTTTGTAGCTAAAATTGAAGTGT
TACTTAATGCCCGCCTTTCTTGTGTTTTTACAGTATTTTGCTTTGTACCTATTCTCATATATTGTAACGGGTG
ATATTTTTTAATTGTATATACTTGAGAATCTTGATCTTCCAATCTATAATGGTGCCAAAGTTGTAACGTTCACT
AACTTATAAGTAGATTTTCGTGCATCCCTGCTTGGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_277 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

ACTGTTATGACGAGACCCGGTTGAAGCCCCTGTCCCCGCCGGTTGCTTGCTCGAACTCTCCTAACGAGACATA
TCACCACATATAATTTCTCATAAGGTGCTGGCGGAGTCCTTAAAGCAACATCCGCCAATCCCTGGTCGGCATCG
TTTATGGTTGACTAGGACGGTATCTGATCGTCTTCGAGCCCCAACTTTCGTTCTTGATTAATGAAAACATCCTT
GGCAAATGCTTTCGCAGTTGTTCTGCTTTTCATAAATCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCC
CCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATAGGATCGAAATCCTATGATGTTATCC
CATGCTAATGTATACAGAGCGTAGGCTTGCTTTGAGCACTCTAATTTCTCAAAGTAACAGCGCCGGAGGCAC
GACCCGGCCAGTTAAGGCCAGGAGCGCATCGCCGGCAGAAGGGACGAGCCGACCGGTGCTCACCATAGGCG
GACCGATCGACCAACCCAAGGTCCAACACGAGCTTTTTAACTGCAACAACCTAAATATACGCTATTGGAGCT
GGAATTACCGCGGCTGCTGGCACCAGACTTGCCCTCCAATTGATCCTCGTTAAGGGATTTAGATTGTACTCATT
CCAATTACCAGACTCGAAGAGCCCGGTATTGTTATTTATTGTCACTACCTCCCCGTGTCAGGATTGGGTAATTT
GCGCGCCTGCTGCCTTCCTTGATGTGGTAGCCGTTTCTCAGGCTCCCTCTCCGGAATCGAACCCTAATTCTCC
GTCACCCGTCACCACCATAGTAGGCCACTATCCTACCATCGAAAGTTGATAGGGCAGAAATTTGAATGATGCG
TCGCCGGCACGATGGCCGTGCGATCCGTGCGAGTTATCATGAATCATCAGAGCAACGGGCAGAGCCCGCGTCG
ACCTTTTATCTAATAAATGCATCCCTTCAGAAGTCGGGGTTTGTGTCACGTATTAGCTCTAGAATTACTACGGT
TATCCGAGTAGCAGATACCATCAAACAACTATAACTGATTTAATGAGCCATTCGCAGTTTCACAGTCTGAATT
AGTTCATACTTACACATGCATGGCTTAATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAGT
CCCTCTACCTTTCCTCCATAGTTCTAATATTTGTTCTAATATTTTGAATCTATTTTCATATATTCTGTGCTCCAGAT
ACTAGCCTAGACTGAATATCCAACGAGATAAAATCATCTTCATCAAGATGACCGACTTCTTCTGTCTGCTATCC
ATAGGATCAATTCTATCATACACTTTACTCATATTCGGAATAACAGAAAAAATAAATTCCACGATCGAACTA
CCAAAAAATAGTGGGCTAAAAAGCAGAAACCTACCATAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGT

>trans_s_278 AY050394|Arabidopsis thaliana AT4g36780/C7A10_580 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCCCAACCAATGCGACAACATTTTTTATTTTTCAATAATTTAAAAAAA
AAACAAATCAAAACATATACTTAAAAATAATAAAAAGAAAACTCGGCCCTGCAGAATTCACAGAAATGCCCT
TAAAGAAGAATCTAAAAGTGCGGTTCTTGTGAAGAAGTTCAACAAAGAACGCGCTCTTCTCGTGAAGTTAGC
TTGGTGGTGCGTTGCAGTACTTTTTTACACGCTCTGTTTCTCTCTCCCTCTCTTTACCAATCCAAAATTCCT
CTCCGATCGAGAGTAAACCCTAATAGGTGAGAGAGAATGAGCAGAGGTTCCACGCCGGAGCTGGATTGCAG
GAACTGAAGATTCGGAAGCTGCAACACAGGGATTTGTTGTTGTCTCAAGAAGTCATGACGGGGCCGAGGATCA
TCGGGAAGGACGCCGACATGGAAAGAAAGGGAGAACAATAAGAGGAGAGAGAGGGCGACGGAGGGCCATT
GCTGCTAAGATCTACACTGGCCTTAGAGCTCAAGGGAACATAAGCTTCCTAAGCACTGTGACAACAACGAAG
TCTTAAAGGCACTCTGTAATGAAGCTGGTTGGGTGGTTGAGGAAGATGGCACAACCTATCGCAAGGGATGCA
AGCCACCTCCGATTGATATTGACACTTCTGCTAATATGAGCGCCTGTTCTTCACTACAACCGAACCCGCAATCTT
CATGCTTCCCAAGTCCTGTACCATCGTACCACGCCAGTCCTTCATCATCCTCTTTTCCAAGCCCGACTCAATTAG
ATGGGAATCCATCTTCTTATCTTCTGCCATTTCTTCAAAATATATCCTCTATTCTGCTAATCTACCTCTCTTAG
GATATCCAACAGTGACCTGTACGCCACCTCTTCTTCCCCAACCTCAAGGGGTTTCAAGCGAAAGCCAGATT
GGGAGTCCATTCCAAATAGCTATGTGACCTCTTCCGTATCCACTTTTTGCTGTCTCTGCTCCCTCAAGTCCTA
CAAGATGCCACCATCTTACACCGGCAACAATTCCAGAATGTGATGAATCTGATGCTTCAACTGTAGATTCTGGC
CGCTGGGTGAGTTTCCAGACTGTGGCACCTTCTGTGGCTCCTCCTTCGCCTACATTTAATCTGATGAAACCGGT
TAGCCAGCAAACTCTCTCAAGATGCAGTTGACAGACATGGAACGATGGGCTGGGGTGCTACATCTGATAG
GACACGTGGCTCTGAGTTTGAATTTGAGAAATTTGAGAGTGGCACAGTGAAGCCATGGGAGGGTGAGAGAA
TTCATGAAGTTGGGGTTGATGATCTTGAGCTTACTCTGGAGGTGGGAAGGCCCGTGGTTAAGCATCCCCCTG
AAGATATTTATTTCAAGAACTTAAGTGCCTGCTCCTTAAGGTTATTGGTTTATGTTTCAAAAATACGTT

>trans_s_279 BT025872|Arabidopsis thaliana At2g21260 mRNA, complete cds

GACAAACAAGAGAGCTCAGCTATTGTGGAACCAGAAGAACCCATTGAATTGATTGAAAGAACAAAGCTCCGA
TAAAAAAAAAAAAATGGCGATAACTCTTAACAGTGGGTTCAAGATGCCAGTGATCGGGCTTGGAGTTTGGCGT
ATGGAGAAGCAACAAGTCAGAGACCTCATTATCAACGCCATTAAGATTGGTTATCGCCATTTTGA CTGCGCCG
CTGATTACAAAAATGAAGCTGAGGTTGGGGAGGCGTTAGCAGAAGCTTTAAGAGTGGACTTGTTAAGAGGG
AAGAACTTTTCATTACCACAAAACCTCTGGAATTCAGACCACGGACATGTTCTTGGGGCTTGCAAGGACAGCTT
AGAGAAGCTTCAATTGGAATATTTGGATCTATACTTGGTGCACTTCCCAGTTGCCATAAAGCATACAGGAGTC
GGCAATACTAGCAGTGAATTGGCTGAAGATGGGATATTGGACATTGATACGACCATATCTTTAGAAACCACTT
GGCATGCCATGGAAGATCTAGTTTCTAGTGGTTTAGTTTCGGAGCATTGGAATCAGCAATTACGACATATTTTTA
ACCAGAGACTGTTTAGCTTATTCAAAAGTGAAGCCTGCTGTGAACCAAATTGAAACGCATCCTTACTTTCAAAG
AGAATCTCTCGTCAAATTTTGTCAAAGCATGGAATTTGTGTACAGCTCATACTCCTTTAGGGGGTGCTGCTG
CTAACAACGAATGTTTGGTACAGTTTCTGTCTTGAAGATCCAGTTCTTCAAGAACTTGCCAAGAAATATGGG
AAGAGTGCTGCTCAAATTGCGCTGAGGTGGGCCATCAAAGGAACACCGTCGTGATACCAAAAACGTCAAAA
CCTGAGAGATTGGAAGAGAATTTCCAAGTCTTCGATTTTCAGATTGTGAAAGAGGATATGGATCTGATCAACG
GAATCGACAGGAAATATCGAACAACCAACCTGCCAGGTTCTGGGGCATAGACTTATATGCTTAGGAGGTAG
TGCATAAACTCTTATCTTATAATCGGTTCTTAAATGCTCTCTGTTGTTGAAATGGATAATGATGCCTTAAGCCC
AACTTTTGAAGTGTTCCTCTGTCTGTGTTCCCTAAAAAGCAGTAAAAAATCTTCCACTGAGAAGCCGGTTT
CTTTAGGTCAGTTTGCTTACATTCTCGTTTGTTTTCTGTGCATCGAATAAACATAAACAGTTTTCTTTATCTTTTCT
TTTCTCAGCAGTTGTTTTATCTTGTCTGTTGTTCATTTTACAAAATGGGTAATCTGGGAGAGATTTTTACCCGG
GAAAAATAATGCAAGGATTCTGGTGTGACGCTGCTAATTGGTTTGCTTTTTTGCTTGTGTTTCATTTCTGTAA
ATGAAGATCCCTTGTGTATGGAAAAACAATGTTGGTCTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_280 AJ302041|Cucurbita maxima mRNA for gibberellin 2-oxidase (ga2ox gene)

ATCCACATTGCATTGAGTGAAGAAAATAAAGAACTTTAAACTCAAAAGGCTCTCTTTTTGCAAAAATCTCTCA
CACCTTTTGTCTCTCTCTGTTTCTTTAAACAAGAAAAGAAAAAAGGGAGACTTTGCTTCTCCTTCTCT
TCGTTCTTCTCTCAAAATTTCCATACCCAAATCCAATGGTGGTTTTGTCCAAACAGTCAATCCAACAGTTGTCT
TCTAATTCCTTCATGAGAAATCCATGGCTTCTGCTGCTTCTCTCTGTCAGCATTCTTCTGAGGTTCCACTAA
TAGACCTTTCTTACCAGATGCTAAACAGCTCATTGTTAAAGCCTGTGAAGAACTTGGTTTTTCAAGGTCGTC
AACCATGGCGTTCCTATGGAATTTATCTCACTCTCGAATCAGAATCCACGAATTTCTTCTCCCTTCCCCTCTCTG
AAAAACAAAAGCTGCTCCTCCTTCCCCCTTTGGCTATGGCAACAACAAATTGGCCGCAATGGCGACGTGGG
TTGGGTGCAATACATTCTCTTAAACACTCACCTAGAATCCAATCCGATGGGTTCTCTCCATTTTTGGCCAAGA
CCCACAGAACTCCGCTCTGCTGTGAACAATTACATATCAGCGGTGAGGAATATGGCGTGTGAAATCCTTGAG
TTAATGGCGGAAGGATTGAAGATTCAGCAGAGGAATGCGTTTAGTAAACTGGTAATGGATGAAGAGAGTGA
CTCAGTTTTTAGGGTGAACCATTATCCGCCATGTCCACAGATTCAAGCTTTGAAAGGGATGAACATGATTGGA
TTTGAGAACATACAGACCCACAGAATATATCAGTTTTAAGATCAAATAATACTTCTGGACTTCAAATTTCTCTT
GCTGATGGGAATTGGATTTCTGTTCTCTCTGATCAAACTCCTTCTTCATCAATGTTGGTGACTCTTACAGGTG
ATGACTAATGGAAGATTCAAAAGTGTGAAGCATAGGGTATTGACAAACAGCTTGAAGTCAAGAATTTCAATG
ATATATTTTGGTGGGCCACCATTAAGTGAAAAAATAGCTCCTTTGCCTTCACTTATGAAAGGAGAAGAAAGA
AGTTTGACAAGGAGTTTACTTGGTCAGTACAAAAGATCAGCTTACAACTCCAGGTTGGCAGATAACAGGCTT
GTTCACTTTGAAAGAATTGCAGCCTCATAACATATATTATATCCCTCACCCAATTCCTTCTTAATATTTTCTTT
CCTTCATTAATTAATTAGCTACCCCAATGTTCTTTCTTTCTTTTCTTTTCTTCAATTCTAAAATTAGGTTTTA
GGGCAATCGGTTAGCGAACGTCGACGCCTCAATCGGTTTGCAATTGGATAGNTTGGTTTTGTTGCTCTTTC
TTTGAATTATACCTATCTTTTTATTTCTTACATAATAAAGTCTACCCATGTTT

>trans_s_281 BT001018|Arabidopsis thaliana At5g10490/F12B17_160 mRNA, complete cds

CTGGAGCTACGCTGATCTGCAGGGCATTGGATCCAGTAGTTTTACCATCGGTAGCCAGTCAGGCTGTCAAACA
ACGACTTCTGAATTTTGTAGATCTTTGTCTACTGTTCTGGCATTTCCTATTGTCTATCAAGCTTGATTCAACAA
GTACAAAAGTTTGCTTATGAATCAAATGACTCAAGTGATGCAAGAAATATGGGCTTTGATTTGCCGGGAAAG
CTGTTTACACTGCAGTCTGGATTGCTGCCCTTTCATTGTTTCATGGAATTGCTCGGCTTTTCTACTCAGAAGTGGC
TCACTGCCGGAGGTCTCGGGACTGTATTGCTTACTCTTGCTGGTCGTGAGATATTTACTAAGTTTCTTTCAAGT
GTAATGATTCATGCAACACGACCGTTTGTGGTAAATGAATGGATTCAAACAAAGATTGATGGATATGAAGTAT
CAGGAACGGTTGAGCATGTTGGTTGGTGGTCGCCAACCATCATCCGAGGCGATGATCGTGAAGCGGTCCATA
TTCCTAATCACAAATTCAGTGTTAGTATTGTGAGGAATCTTACCCAGAAGACTCATTGGCGTATCAAGACTCAT
CTTGCCATCAGCCACTTAGATGTCAATAAGATCAATTATATTGTAGCTGACATGCGCAAAGTTTTGTCCAAGAA
TCCTCAAGTTGAACAGCAAAGGTTACACCGTAGAATTTTTTTGGATAACGTCAATCCTGAAAACAGGCTCTTA
TGATCATGGTTTCTTGCTTTGTGAAAACCTCTCGTTTTGAAGAATACCTGTGTGTGAAGGAGGCAATTCTCTTG
GATCTTCTCAGAGTTATCAGCCATCATAGGGCCCGGCTTGCCACTCTATTCGCACTGTTGAGAAAATATATGG
CGAGGCTGATTTGGAGAACGTACCATTTTCTGAGACCATGTATTCTCGTTCAGGGGCTACTAACCGTCCTCTGC
TTCTTATTGAGCCATCTTATAAAGTCAATGGTGATGACAAAACAAAATCTCTAGTCGTCCCACTCGTTCATCA
ACTGAAGAAAAGGAAGCCAAACAAAAGGCAGCCTCGACGTCAGGGACAAAAGCCCCGACACAAGTGGACC
AACTTCAAATCTTGATATGAAAGCAGATGATAAAAAATCAATTTCTCCATCTGGTACTACACCTAAGCCTTCAG
CCCCAATCTATCAACCGGCAGTCCAGAACAAAGCAGTGCGGAAAAGCCAGTAACAAGCAATGAGATAAAAG
GAGAAAAGAAAGATCTCTTGGAAGTGAATCCAAAGACAACATGCCACGAGGAACTCCGCCAAAAGATCGC
CTTCAGCTTCAGTCTGGGAGCGAGAAAGCTGATATTCTTTCAACAAGCTCGCAAATAAGCAAGATGGGGA
GAAGACGTCTGCATCACCATCAGTGGTGAGGCCACCATTGGAGGAGAATATTGTGCTGGGAGTTGCCT

>trans_s_282 DQ988169|Brassica napus photosystem I P700 apoprotein A2-like (psaB) gene,
complete sequence; and photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

AATAGCTGCTTGGCCTGTAGTAGGTATCTGGTTCACCGCTTTAGGTATTAGCACTATGGTTTTATATTTTAGG
CTTTCACAGTTTTGGTTTGTATATTCATAACGATACCATGAGTGCTTTAGGGCGTCCCCAAGATATGTTTTCAGA
TACCGCTATACAATTACAACCGTCTTTGCTCAATGGATACAAAACACCCATACTTTAGCACCTAGTATAACGG
CCCCCGGTGCAACAACAGGCACCAAGTTTACTTGGGGGGGTGGTGATTAGTGGCAGTGGGCGGCAAAGTT
GCTTTGTTACCTATTCCGTTAGGAACCGCAGATTTTTTGGTACACCATATTCATGCATTTACGATTCATGTAACG
GTATTGATACTCCTGAAAGGTGTTCTATTTTCTCGTAGCTCGCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGTTTT
CGTTTCCCTTGATGAGACCCGGAAGAGGGGGTACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTTAGGGC
TATTTTGGATGTACAATTCATTTCCGTTAGTAATATTCCATTTAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGT
AGTGTAAGTGATCAAGGGGTAGTAAGTCAATATTACGGGAGCTTCATTTGCGCAGAGTTCTATTACTATTAATG
GGTGGCTTCGCGATTTCTATGGGCACAGGCATCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATAT
GGCCTGTTTTTCTAGGTGCTCACCCACGCAAATCCCCGACCCGGCACCCCTCATTACAGCGGGCGTGTTATTG
GCAAGAACTTATTGAATCCATCGTTTGGGCTCATAATAAATTAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCT
TGAGCATTGTCCAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTT
CTTCTAGCAAGAATTATTGCAGTCGGATAATGGCTAGGAGGATTGAAAGGCATTATGGCACTAAGATTTCC
AAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGTGCAAGTT
TCGAAAGTCATGATGATATTACTGAAGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCATTTTCGGGCAATTAGCA
ATAATTTTTCTGTGGACTTCGGAAATCTTTTCATGTAGCTTGGAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAGGA
CCCTTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCACGGGTGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTTTA
CTCGAGGTGGTGCTCTTGCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTATCAGTGGTGGTATACAATCGGTTTA
CGCACTAATGGGGATCTTTATACTGGAGCTCTTTTCTATTATTTCTTCTGCGATATCTC

>trans_s_283 NM_106517|Arabidopsis thaliana brassinosteroid signalling positive regulator-related (AT1G78700) mRNA, complete cds

ATTTTTCACGGAAGTGTTTCTTCTCTAATTTCCCGGGCTTTGTCAAATAAAAAAATAAAAAAAAAAAGAAGAA
GAAGAAGGGGAAAAAAAAAAGAAAAACACTTTCCTCCGCCGTTACGGTGGTCCATCTAAGATCCGATCGCC
GTCTCCAATCACCTTCTTCGGCAACCATCTGATTCTGATATCTATCACTCTCAGTTCTTCTTCTTGTTCGTTGTTA
ATTTCTGTCTGATTTATCCAGCGGTCTTTGCTTTTCTTTCACTTTGTTTCATTGATTGTTACAGAGTCTCGAGGA
ATTTTCCGTTTTCTAGACTTTGTCTTTCGTGTCCGATTTGTTTACTTTGAAGTTGCGAAAGACGTTTTCACTGT
TCAGCTTCTTCCGTGTCTCGATCCTTGAAGTCTGAGCTGATTTCTTTTGAAGATTTATCTCTCTCTCCTATGAAAT
TTTGTGTTGTGATTGTAGTTGAATCGTATTCTGCTGAGATAGACGGAGGCAATTCGAAAGAATTGCTTTCTGAT
CTATCGGTTGAAGCTGTTTGAAGTTGATTGTTGGTCTGAGTGTGTGTGTGTGTGAGAGAGAGAGAGTGTG
TGTTGGAGATGACGTCGGGGACTCGGCTACCGACGTGGAGGGAGCGGGAGAACAACAAAAGAAGGGAGAG
AAGGAGAAGAGCTATTGCGGCAAAGATCTTGTGCTGACTCAGGATGTACGGGAAGTACAAGCTTCCCAAACA
TTGCGACAACAACGAGGTCCTTAAAGCTCTCTGCAATGAGGCGGGATGGACCGTTGAACCCGATGGCACCAC
TTACCGTAAGGGATGCAAGCCAATTGAACGTATGGATGTGGTTGGTGGATCGGCAGCTGCAAGCCCGTACAC
ATCTCACCAACCAAGTCCTTGTGCTTCCTTCAATCCAAGCCCCGGTTCATCTTCTTTCCTAGTCCAGCATCATCC
TCATATGTCGGTAATCCAAATACCGATGGAAGTTCACTTATCCCCTGGCTGAAAAACCTTTCACGTCATCATC
TTCGGCATCCTCGTCTAAACTCCCAAATCATTATATTCATGGAGGTTCCATCAGTGCTCCTGTTACTCCTCCTCT
AAGTTCCCCAACTGCTAGAACACCCCGACTCAAAGCTGACTGGGAAGACCAATCTGTCTTACCAGGATGGAGT
GCACAATACTATTCTCCAGCCATCTTCCACTCCACCAAGTCCTGGGCGTCAGATTGTTCCCACTCCAGAATG
GTTTGCTGGCCTTAGAATTCCTCAGGGTGGACCCAATTCTCCAACATTTAGTCTTGTCTCCACAAACCCATTG
TTTCAAAGAAGCAGCAATCACTGGTGGAGGATCTCGCATGTGGACCCCTGGTCAAAGTGGGACCTGCTCTCCT
GCCATTGCAGCGGGCTCTGATCACACTGCAGATATTCCATGTCAGAAAGTATCTCTGA

>trans_s_284 AJ271728|Arabidopsis thaliana oasB gene for O-acetylserine (thiol) lyase B, exons 1-10 and cnx6 gene for molybdopterin synthase, large subunit

AATAGAAAACAACGAATGCAATGGCCAAAGGCAGCCCGTTGATTGGCGCTCTTATCTCACCTAGAAGCGTA
GCCCACACACACCGGAGAAATCTCTACGGGCCGGATGATGGTGGATTTCGGGTTCTTACAATTGTAGAATCAT
CTTCATCTTCACCGCTTATTGCAGATTATCCCTAATTCGTATGCAGTTCAGGTATCATTGGATTCAAAGAACTG
TGTTTCCTGGATTTCATGGACCGAAGCTGAGAGTAGAGAAGATTCTTTCTTTTCATGAACTGAACACGATCA
GCTGGAGTTGAAATAAAAACGTAGCAGATTTGGTGAAGAATGGCTTCGGAGGAGAGAACTCTTGTTGAAATT
TTGGAAGAGAACATTCCCATAGACATGGCCAAATACATCACGTTTCGTTAGTGCTCCCCAGGCTGGCGCTATCT
CTACATTTTCAGGTACTACTCGGGACAATTTGAAGGCAAGACGGTGGTTCGAATTGCGGTATGAGGCTTATGT
ACCAATGGCTATCCGGAGCATCAAATCCATATGTTTCATCAGCTAGATCGTCTTGGAACCTCCATTCGATCGCAG
TTGCCACCGCCTAGGTCCTGTTCTGTTGGGGGGGTTAGCGTTTTTCATTGCTGTTTCAGCTGTTTCATCGTGCT
GATGCTATGGATTGTTGCCGTTTTGTGATTGATGAACTTAAGGCTTGCCTGCCAATATGAAAAAGGAGGTTT
ATGATAATGGGGAGGTTTGAAGGAGAATTCTGAGTTCACGGATAGAAGATTGGAGCTTGTGAATAAGGAA
GGACATGATCACGATGAAAATGAACTGCAGTTGTAAGGCATAACAGGAAAAGCTGCTGTGGCTCAAAGGTT
AAGGCAATGAATGAAGAACCCGCCAACTGTATTATTAGGTCAGATCATGAAGAAGGCAACCAACACAAT
GTTAAGAATGAAAATGAAAATGAAGAAGCTCAACTTCAAAGGAATATCAGGAAAAGCTGTTGTGGTTCAAAG
GTTAAGCTGAATGAATGAAGAATCTTAGACATCTGATGCATTAGCTGTTTATGGGGGTTTTTAGGATATTATTG
TATTTAGCTACACACTCAAACTCTTGTTATTCTATTATTGGTGGTTTTCTTATACTATTTCTTAATCATTCT
GATAGCACCTACTTGTTCTTGCTTCAAATCCTCTCACTGAAACAAATTACACCCTCTTGAGTCTAGTCAAGCC
CTACTTTTGGTTATTGGCCCCACCGATGAAGAACAAGCTTGGATTGTTGATGGAACATTACTCGGCCTTTTGG

AGAACTGCTACAATCTTGGATTATTTGCAATAGCATCGTAGATATGTCCATGGTCTTGGCTTGACCTACAAAGA
GTTTCTTTTTTCCCTTCGTAACGAGTTGTTTTGCTTTTCTGATTCAAGAGATTATTGTTATTCCATT

>trans_s_285 NM_001068752|Oryza sativa Japonica Group Os08g0512300 (Os08g0512300)
mRNA, complete cds

CTCTTTAGGTGGAGCTCCGACCCGATCAGATGGGGGAACTGGCAACTGAGAAGCATGTTCAATACATATTAT
CTGTTGAAAAGAGAAAGGATGATTTTCAATCTGTGGTGATGGAACATCTAAGGATGAATGGTGCATACTGGG
GGCTGACTGCACTGATATTCTTGAAAGCTCAATATTGTTGATGCTGATGAAGTTGTTTCATGGGTAATGTCAT
GCCAGCACGAGTCAGGTGGTTTTGCTGGCAATGTTGGACATGATCCGCACATACTTTACACCCTTAGTGCTGT
GCAAGTTTTACCTCTTTTTGACAAGCTGGATGTTTTAGATGTTGATAAGGTGACAAATTATGTCGTTGGCCTTC
AAAATGAAGATGGCTCCTTTTCCGGGGATATTTGGGGTGAAGTTGATTCGAGATTTTCATATATTGCAATTTTA
TGCTTATCGTTGTTACATCAATTGGATAAAATCAATGTTGAGAAGGCTGTGAACCTCGTCGTTAGTTGCAAAAA
TATGGATGGTGGTTTTGGCTGTACACCTGGTGGAGAATCACATTCTGGGCAAATTTTCTGTTGTGTTGGCGCTC
TTGCTCTTACGGGTCTTTCACCATGTTGACAAGGATCTTCTGGCTGGTGGTTGTGTGAGCGGCAAGTTAA
ATCTGGAGGTCTTAATGGTCGCCCTGAAAACTCCCTGATGTCTGCTATTCATGGTGGGTTCTTTCTAGCTTGA
TCATGATTGACAGGGTCCACTGGATTAATAAGGAAAACTGATCAAGTTCATCTTAGACTGCCAGGATACCGA
AAATGGAGGAATTTCAAGATAGACCAGATGATGCTGTTGATGTCTATCACACATACTTTGGAATAGCAGGACTT
TCACTTCTTGAATATCCATCGTTGAAAGCCATAGATCCAGCATACGCTTACCAGTCGATGTCGTGAATAGGAT
TCGTCTTGGGAAAAGGCATGCTATCTAAGAGCGTTATATCTTTTTTCCAAGTTCGGGTAACCTCAATCAATTCCA
TATCAGTCTTTATTTGATGATGGGAAGACATTTTATTAGTAGTCAAATTTAGGTGTTGGACCATGAGTTTTGGT
CCGATATAGGTCTTAGACTTGTGAAGAAAGGTGAATCATGTACTGTATTGTAGGCCAATAGTCAATTGTCAT
GGCAGGATTTGATCAAAGTACAATGATCTAGAAATTGCCTATTGATTTACGTTTTCAAGGTAGAGGTACATTTA
TCTTTTTGCTCAATAGGGACTTGTTATATCATAGGATAGTTAGTGTTCTATTGTTCTGTTCTGTCATTATTTACT
TATTCACCTTCTTATAGATATTGAGCATTAGTCTCTTTTTGGTCACTTGTTGAAAGAAAAACCTATAAGATGTT
GTGATAGTTTAAATCTCTGTTTGATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_286 NM_103989|Arabidopsis thaliana plastid-lipid associated protein PAP / fibrillin
family protein (AT1G51110) mRNA, complete cds

ACTAAAGATAACAAAAAATCTGGGCGCGTACCTCACCTCAGCTTCCTCTGTTTTTGCCTTTCACCCCATTAATGG
CTCTTAAAGCTAATGCCATGACGCCCACATATCTTCACCGTTCATTCTTCACTCCTCACACTCCATCTCTCCCTCC
GATCAAACGCTACCATCGCCATCACACACATATTCGTCTCCGTTGTCGATCTTCACTTGTTGATGAGCAGCAGA
AAGAAGTTGTCTCGTTTTCTGAACCCGAAAATTTCTCTCATTGATGCTCTCATTGGTGTCCAAGGTCGAGGCCGC
TCTGTTTCGTCTCAGCAGCTCAGCAATGTGCAACGGGCTGTCAGTGTTCTTGAAGGTTTGAAGGCGTGCGAG
ATCCGACCAACTCTAGCTTAATTGAAGGACGTTGGCAGTTGGTATTCACAACTAGACGGGGAACAGCGTCCAT
AATACAGAGAACATTTGTTGGAGTTGATTTCTTCAGTGTGTTTCAAGAGATATTTCTACGGACAAACGACCCAC
GAGTCTCCAACATTGTTAAATTCTCTGATGCAATCGGAGAGCTGAAAGTAGAGGCGGTTGCATCAGTCAAAGA
TGGCAAACGCATCCTTTTCCAATTTGACAGAGCAGCATTTTCTTCAAGTTCTTGCCCTTTAAGGTCCCGTATCC
TGTACCGTTCAAACCTTCTGGAGATGAAGCAAAGGGCTGGTTGGACACCACATATTTATCTCCCTCGGGTAAC
CTCCGCATCTCAAGAGGAAACAAGGGCACCACGTTTGTGTTGCAAAGCAAACAGAAGCAAGACAAAACCTTA
CTGCTAGCAATTTCTACAGATAAAGGAGTTGAAGAGGCAATTGATAAGCTCATCTCTGAGAATCAGAATGAAA
ATAAATTTGAAGAGGAACCTCTCGAGGGAGGATGGAATATGTTATGGAGTTCACAGATGGAAACAGATAGTT
GGATAGAGAATGCTGCAAATGGTCTCATGGGGATGCAGGTTATCAAGAACGGGCAAATGAAGTTTGGAGTG
GATATGTTGCTAGGATTGAGATTCTCCATGATTGGTTCACCTGTGAAATCTGGAGACAACGCATACGATGTAA
CCATGGATGATGCTGCAATTATTGGAGGCCCTTTGGATATCCTTTGGGAATGGAGAGCCGGTTCAAGCTCCA

ACTTCTATACAATGATGGCAAGATTAGAATCACACGAGGATACAATAACATCTTGTTTGTTCATCTACGGGTGG
CTGAATCAAAGCAGGTGTAAGAAGACTTGTCAAAAGAAGGAAGCCCTTGAGGCTAGGAACCCGTGTATAGTA
GTAGTAAGAGATGTTCCCGCGTCTTTACGATGTATATTCGTCGATTAAAGTTATAAAAAATCTCGAACATCAAA
ATTTACCCCATCCTTTCAATAAAGAATTTCAATCTCAGATTTTATTAATTAACGGAAGTATCTAAC

>trans_s_287 EU639448|Solanum lycopersicum D-cysteine desulfhydrase mRNA, complete cds

AAGACTGAAAGCAAGCAACACGACGAGCTCCCCAACAGCCTCAACTTCCTCTCTGTCAGACCTTACGTCCCTCC
GTCTTGGGCCTCACACCTTAATCCAATCCCCACTCACCTTTCTTCTCTTGCCCGTCTTCCCACTCCCATTACAAAG
TGGAACCTTCCTAATCTGCCCAACAACACTGAGGTCTGGCTCAAGCGTGATGATCTTTCAGGAATGCAATTGA
GTGGAAATAAAGTCAGAAAATTAGAATCTTGATAGCAGATGCTTTCGAACAGGGTGCTGACTGTATTATAAC
TATAGGAGGCATCCAAAGCAATCACTGTCGTGCTACTGCTGTGGCTGCGAAGTATTTCAATCTCGACACTTATC
TAATTCTACGCACTTCAAAGGTCCTTGTAATGAAGACCCCGGATTGACTGGAAATCTTCTTGTTGAGCGGTTA
GTTGGAGCTCATGTCGAGCTTATCTCAAAGAAGAGTACGCAAAATTGGAAGCGTGGCACTAACAGATTTTC
TGAAGTCAAATTAGTTGCTGAAGGAAGAAAGCCGTATGTTATTCCTGTTGGAGGATCAAATTCCTTGGAAC
TTGGGGCTACATTGAAGCAATTAGGGAGCTTGAACAGCAACTGGATTCTGGAAATGGCAAGATTAAGTTTGA
TGATATTGTAGTAGCTTGTGGCAGTGGGGGCACAGTCGCTGGTTTATCATTGGGATCATGGTTGAGCACATTG
AAGACAAAAATTCGTGCGTTCTCTGTTTGTGATGATCCTGATTACTTTTACGAGTTTGTTCAGGTTTACTTGAT
GGGCTTCATGCTGGTGTGACTCACGCGATATAGTAGAAATACAAAATGCAAAGGGTCTTGGCTATGCAATCA
ACACGCCCCGATGAGCTTAATTCGTAAAAGAAGTTGCCGAATCCACTGGCGTTGTTCTTGATCCAGTATACAGC
GGGAAAGCAGCTTATGGTATGATGAAAGACATGGCTGAGAATCCAAAGAAGTGGGAAGGCAGGAAGATCCT
GTTCAATCACACAGGAGGACTGTTGGGACTATATGACAAAGCTGATCAGATCAGTTCAACGCTGGGGAAATG
GCATCGTTTGGACGTTAATGAGTCTGTGCCACGAATTGATGGAGTTGGGAAAATGTTCTAGAACAACCTCGGGT
CAAAAAGTGAAGCCACTATTGAAAAACGGGTGCTTTAAGATTTCTTATCAGACATCTTAATTATTAGGGGTTCTG
AATATATTGTTATGGATTATTGAAAATCCAATAATATATACCTTGCTTTATTTTTATTTGCTAGACATATCGTG
AATGCCAATTCGTGCAGTATTCGATGAATAAAGCACCAATTGCCATTTTGAATATCGATGGTTCGGTACGTAAA
TTGTTGAAAAAATAAAAAATAAACCTTGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_288 AY040533|Gossypium hirsutum leucine-rich repeat resistance protein-like protein
mRNA, complete cds

ATGGCAGGGGAGGATAGGAAGTGAAGTGGGGACCAATTTCCATTCATACCCTTCTCCCTCATCTTCTTCCT
TTTCGCTCTTCCTCATCAATTTGTTCACTGCAAAACCTTGAAACGCGATGTGAAAGCTTTGACTGAAATCAAAG
CCTCTCTCGGCTGGAGAGTGGTGTATTCCTGGGTAGGAGATGATCCATGTGGTGGTTCTACCTTCACCTTG
GTCCGGCGTTACCTGTTCCACCCAAGGAGACTACAGAGTCGTCACTGAATTAGAAGTCTATGTGGTTTCTATTG
TTGGACCTTTCTGTTGCGGTTACCAATCTCTTGACCTTACTAGGCTGGATCTTCATAATAACAAGTTGACTG
GACCAATTCCTCCTCAAATTGGACGGTTAAGACGTCTCAAATACTGAATTTAAGGTGGAATAAACTTCAAGA
TGTCATCCCTCCTGAGATTGGTGCATAAAGAGCCTAACTCATTTAAATTTGGGTTTCAATAATTTCAAAGGAG
AAATCCCCAAAGAACTTATTAATCTTCGTGAGCTCCGCTATCTCCATTTAAACGAAAATCGCCTTTCAGGGAAA
ATTCCTCCTGAACTGGGCACTCTACCCAATCTTCGTACCTGGATCTTGGCAACAACCATTTAGTAGGAACCAT
AAGGGAAGTGAATCGCTTGAGGGCTGTTTTCCATCACTCCGCAACCTGTACATCAACAATAATTACTTTACTG
GAGGAGTTCCATCACAGCTTGCGAACCTCACTAACTTGGAATTTCTGTACCTCTCCTACAACAAGATGTCTGGG
ATAATACCACCTGGCGTTGCTCATATACCTAAGTTAACTTATCTGTACTTGGATCACAACCAATTTAGTGGAAG
AATCCCTGATGCCTTCTATAAACACCCATTCTTAAAAGAGATGTACATTGAAGGAAATGCATTTTCGGCAAGGT
GTCAAGCCAATAGGTTTCCACAAGGTTCTGAAGTTTCTGATTCTGAATTCCTTGTTTAATTAGTAAGTTGAACA
GGGATCGTAGCACTGCTTTCACAGTGGATTTGATTCCAGAGCATGGTAGGCATCTCGTTGAAATATTATCCTT

GTGCAGAAGCTATGCTAATCTTTTTGTATCGTTTCATAATTATCTAATGCCTCCGAAGGGAGTAGAAGTCTTGT
TTGTGTTTACACGTACATCCAAATAGCCAAAATCTGTATTGGGATGTTGTCTTTATTATAAACTTAATGGAAGA
GCTAGGTAAAGGTTGGGATGTTTGTAAATGTATATAGAAGCATGATGCGGTTGTTAGATTAAACTTTACTATAA
ACGATGTTCTTCATGTTAAGTGCTGTATCCTGGTTGTGTTTGGTTTAGCGGGACACTATTTGTAAAGACAATT
AAATGAAATGCTTCTTTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_289 NM_202845|Arabidopsis thaliana CYP707A1; (+)-abscisic acid 8'-hydroxylase/
oxygen binding (CYP707A1) mRNA, complete cds

ATCCTCCTTCCTTATATTTTTCTCCCTTCAAACAACCTCTACTACTTCTAACTTCTAACCATGTACGTCTTCCTC
TCCCTCGTTGCCCTTCTTCTCCTTCTTTCTTCGTTATCTTTTCAAATTCTCTGCTCCGGCTACCCGAAACTTCC
CCTTCCCCCGGGTTCCATGGGTTGGCCCTATTTGGGTGAGACCCTCCAGCTCTACTCTCAAGATCCCAATGTCT
TCTTTGCTTCAAAAAAGAAGAGATATGGTCCAATTTTAAAGTCGCATATATTGGGGTATCCTTGCGTGATGCTT
TCTAGTCTGAAGCTGTAAAGTTTGTATTGGTGACTAAAGCTCATCTCTTAAAGCCTACATTCCAGCTAGTAA
GAGAGGATGTTGGGAAAAAATGCTATCTTTTTTCAAGGTGATTACCATGCCAAATTGAGACGTCTTGTTCT
TCGAACTTTCATGCCTGAGGCGATTGAAACATCGTCCCGAGTATCGAATCCATTGCTAAAAACACCGTTCAAT
CATGGGATGGACAATTGATTAACACCTTCAAGAAATGAAGATGTTGCGATTGAGGTTTCGTTGCTTTCGATA
TTCGGAAAAAGACGAAGCTCTTTATTTGAAGACCTCAAGCGATGCTACTACATTCTTGAAAATGGCTACAATTC
GATGCCGATTAACCTCCCCGGAACACTCTCCACAAGGCCATGAAAGCAAGGAAAGAGCTAGCACAAATACTA
AAACAAAATCCTCTCAACAAGAAGGGAAATGAAGCGCGACTACGACGACCTCCTTGGATCTTTCATGGGCGA
AAAAGAAGGCCTCACCGACACACAAATCGCCGATAACGTCATCGGTCTCATCTTCGCTGCTCGCGACACCACC
GCGAGTGTCTTAACATGGATCTTAAATACCTAGGAGAAAACCAAGTATTCTTCAAGCTGTAACAGTAAGAA
TGATCTCTCAATTTCTTAACCAATTTCCACTTCATTCTTTGAAAAAGTTCAGAAATTTGATTCTCCTCTGTTTTCT
GGGTTTGTAGGCTGAACAAGAATCAATAATGAAATCAAAGAAAAATGGAGAAGATAATCTCACATGGGCTGA
CACCAAAAATATGCCAATAACTTCAAGAGTAATTCAAGAACTCTAAGAGTGGCTTCAGTTTTATCATTACTT
TTAGAGAAGCAGTGGAAGATGTTGAATTTGATGGTAAGTAAAAAGAAAACCCAAAAAAGTTAGTTATTTAA
ATTATGAAATTAAACCTTTTCTTACTTAAATCTTTTTCTTCTAAATTTGTTATTTTGCAGGATACTTAATTC
AAAAGGATGGAAAGTTTTACCTTTGTTGAGAAACATTCATCACAGCCCAGAAATTTTCCCTCAACCTGAAAAAT
TTGATCCTTCAAGATTTGAGGTAAAAATAATAATAATAATAATAAAAGG

>trans_s_290 AF412074|Arabidopsis thaliana AT5g08330/F8L15_60 mRNA, complete cds

ACAAGAATCAGTCCTCTTCCAATGGAGCCCTCGCTGTAAAAAGCCTCCTTCTAAGGATCGTCATAGTAAGGTT
GATGGTCGTGGCCGTCGTATCCGTATGCCCATCATCTGCGCTGCTCGTGTCTTCCAGCTGACTCGTGAACCTGG
TCATAAGTCCTACGGTCAAACCATCGAGTGGCTTCTTCGTCAAGCCGAGCCTTCTATTATTGCTGCTACTGGTA
CTGGTACTACTCCTGCTAATTTCTCCTCTGTTTCTTTCCGTTAGAGGAAATGGCGGGCGGCTCTGCTTCTCT
CTTCCCCTTCTTCCACTACTTCTACTCTTCCCTCTCACGTCCTCAAGCTCTTCCGGTCCCACGCCGTTTATTCTT
GGCAAGCGTGTTAGGTCCGACGATGATGCTAAAGACGATGGGTTAGGAGTGGGTCAAGCGGTTGGGTCCAT
AGTGGGTCCGACCGGGCCAGGTGGGTATTGGGCGATTCCGGCTAGACCCGATTATGGGCAGGTTTGGAGTTT
TGCTGCCGCGGCTCCGTCGGAGATGGTGGTTCAACAGGGGGGGATTCTCAACAAGCGTCGTTGTTTGCTCA
ACAGCAGCAGCCGATTAGAGAGGCGTCCGCGGCCAGAGTGGGGAATTACCTTCTGGTCATCTGAATTTACT
GGCGTCTTTGTCCGGTGGAGGTGGTTCTGGACGGCGGGAAGATGACCCTCGCTAATTGTTGAAATGGGTTGG
GGATATTCTTGTTCTTCTTCATCGATTTTGTACAAATTATCTGTGTGTCATTGCTTCTTGTTGTCAGCTAAGA
AAAAAAGGGTTAATTCTAGTGGGAATGTAGGATTCTAGGGTTTCAGTTTGCTTGGAATCAGAATTCGTAGAT
CGAATTTCAATTTTCCATGGATGAGTTCGTTTCAGATTAGAATTTAGGGTTTGAAATTGCTAGAAACAAAAAT
AGGGTTTTATTTTCTTCTTCCATCTTATGAGAGTGAGAAGAAGATTCAAGATTCATCGCTGCTGCAATTGAC

GATTGATGAACTCGAACAGGGGAAGCAGATTTGTTGAACATTGAATCGGAGCTTCAGTTTTTGCCGTAATCG
GCTTACTTATTGCAGTGACGACGAAACCATTGAAGACCATTCTGAAGCTTCTTCTTCAATGGTCACTACCCCTC
GAATTTGAAAAGATGAAGCTCCAATCTCTCACTCTGTAAGACCTCTGTTTTTCTTCTAAAGAATTCCATTTGTA
TTCTTAGAATTTGTTGGCTTGACAATAATGGGTGTTTTTATTATTTTCATTATTATTATTTTCTTGTTCTTGTT
ATGTCAGTGGATTGTTTCTGGGATTTCTCTGATGTGAATAAAAATCCATTTGGTTTTTCTACCATTTTGNCA
GTAAACAACATTTTACATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_291 EU106853|Gossypium arboreum strain DPL971 adenylyl cyclase-associated protein
(CAP) mRNA, complete cds

AACACCACCTTTTTACTCAATCGATTACTGGAACACCCACCATTGTTTGTCTCTCAGATCTGAGCTTATTTTCTT
TCCCACATAAGGGAAAGACTGAAACACTTCTGGGTTTCAACCAACTATGGATGAGAAGCTGATTCAGCGGTTG
GAATCGGCTGTAGCTCGGCTTGAAGCCTTGTCTACTGGATTCCGCCCCGGTGGTGCACCGGAGAGTGGCGAG
GATGTGGTGACTGACCCCTCTATTCTTGCTTTTGATGATCTGATGGGGCAGTACTTTGCAAGGGTTTTAAGTGC
TGCGGAGAAGATTGGAGGGCAGGTTCTTGAGGTAAGATTTTGAAAGAGGCATTTTCTGTTTCAGAGGGA
GCTTCTTGTTAAGGTCAAGCAAACCTCAGAAACCTGACTTGGCGGGCTTAGCTGAATTTCTGAAGCCATTGAAC
GAAGTTATTATGAAAGCAAATGCACTCACAGAGGGAAGGAGGTCTGATTTCTTCAACCATTGAAAGCTGCA
CTGATAGTCTATCTGCACTGGCTTGGATTGCATTCACAGGAAAAGACTGTGGTATGAGCATGCCATTGCCCA
TGTTGAAGAAAGTTGGCAAATGGCTGAATTTTACAACAAAGTTCTTGTAAGTACAGAAACAAAGATCCAAAT
CATGTTGAGTGGGCCAAAGCTATAAAGGAACTCTATTTGCCAGGTTTAAGGGACTATGTCAAAGTTTCTATC
CTTTGGGTCCAGTATGGAGTGTTACTGGGAAAACAACTGCTTCTGCTGCTCCTAAGGCTTCTCCTCCTCCCCCT
AAAACATCAGCACCGGGTGCACCGGCCCCACCTCCACCCCTCCAGCTTCACTATTAGCTCTGAACCTTCTCA
GGCTTCACCTTCTAAGCCAAAAGCAGGAATGGCTGCTGTTTTCCAAGAAATCAATTCTGGGAAGCCCGTGACT
TAGGTCTGAAGAAAGTCACAGATGACATGAGAACCAAGAACCGTGCAAGATAGAGTTGGCATTGTGGGTCT
AGTGAGAAACGTGGTCTACAGCCTCTCCTTCATTTTCCAAAACAGGACCTCCAAAGTTAGAAGTTCAAATGG
GTCGAAAGTGGGTTGTTGAGAACCAAATTGGAAGAAAAAACTTGGTGATTGATGATTGTGATGCTAAACAAT
CGGTGTATATCCTTGGATGCAAAGATTCAGTTTTGCAGATTCAAGGGAAGGTCAACAACATAACAGTTGACAA
ATGTACAAAATTGGGAGTTGTATTCAGGGATGTTGTGGCTGCATTTGAGATTGTAAATTCCAATGGGGTTGAA
GTACAATGTCAGGGTTCTGCTCCAATAATTTCTGTGGACAACACTGGAGGCTGTCTACTATATTTAAACAAAGA
TTCTTTGGGGACATCCATTACAACTGCCAAGTCAAGTGAGATCAATGTCTTGGTTCTGATGCANGA

>trans_s_292 AY326307|Cucurbita maxima gibberellic acid insensitive phloem B (GAIP-B) mRNA,
complete cds

TAACTCGTCTGTGCTCCTCGTCGATTGCGAGGAGAACGGAATTCAACTGGTTCATGCGTTGATGGCTTGCGC
CGAAGCCGTACAGCAGAACAATCTGAATATAGCGGAGGCTCTGGTGAAGAGAATCGGTTACTTGGCGGTTTC
TCAAGCAGGAGCGATGAGGAAGGTCGCCACGTTCTTCGCTGAAGCGTTGGCACGCCGAATCTACAGGCTCTG
CCCTGAGAATCCCTTGATCATTCAAGTGTCCGATAGGCTTCAGATGCATTTCTACGAGAGTTGTCCCTATCTGA
AATTCGCGCATTTACCGCTAATCAAGCGATTCTCGAAGCCTTCGAGGGGAAGAAACGTGTTACGTAATCGA
TTTCTCCATGAACCGAGGGATGCAATGGCCAGCTCTGATTCAAGCCCTAGCTCTACGGCCGAACGGTCCTCCA
GCCTTTCGCTCACCGGAATTGGTCTCCGGCGCCGGATAACTCAGATTACCTCCAAGAAGTAGGCTGGAAAC
TGGCTGAATTAGCCGAAGCTATCCATGTGGACTTCGAGTACAGAGGATTTGTGGCGAATAGTTTAGCAGATCT
AGATGCGTCGATGCTGGAGCTCCGACCGAGCGAGGTTGAATCGGTGGTAGTGAAGTCAAGTATTGAGTTACA
TAAGCTCCTGGCTCGGCCTGGCGCCCTTGAAAAGGTTCTGTGCGTGGTGAAGCAGATGAAGCCGGAGATCAT
GACGGTGGTGGAGCAAGAAGCGAATCACAACGGTCCGGTTTTCTGTGGACCGGTTCACTGAGTCACTCCATTA
CTACTCAACGCTTTTTGACTCGTTGGGAGACTCCCCCAACAACCAGGACAAAATCATGTCCGAAATGTACCTCG

>trans_s_293 AF098458|Hevea brasiliensis latex-abundant protein (LAR) mRNA, complete cds

>trans_s_294 NM_001054646|Oryza sativa Japonica Group Os02g0745600 (Os02g0745600)
mRNA, complete cds

AAGTAAGAGCATAAAGAATCAGAAAAAGAAAGAAAAGGTTAGAGAGCAAAGGATTCAAAGAGAAGATAATA
GTAAAGAAAATCTTGGTGGACTGATTTTCATGTGCAGCGCAAAAACGAAGCCAGATTGTTTTCACTACAACGT
AATGGGTGTTTCTGCTGGAAAAAAGGATGTTGTCTTGCAATTAAGCCTGGGTGAAGCTCTTCTCTACGATT
TTGATCTCAGGCTTCTGTATGGGATTTATAAAGCATCCTCTACCGGTGGCATGAACTTGAGCCAAAGGCTTTT
AATGGGGCTTTCCCTGCTCAGGTGCGGTTCAATATTTACAAGGATTGTTTTCCACTACCCGAGAATGTTTTCAA
GAAGGCTATCCAAGAGAACTATTATGAGAAGCACAAAGTTCAAAGCCGAGCTCACTGTAAACAGGTTAGGAA
GCTCTCAGATCTTTTCCGACCAGTTGCACTCCATTGAGTGCTGCTCCTGTCTTGCCCATGTGGAGGTACCAAT
TAGGGATAGAAATATTCATGGGAAAGCTAAAGACATTGGGGTTAGGAACTCCAAGTCCAAGGATGATGCCAG
GAAATACCATTTGTCTCTCATGGAAGGGATCGACAGAGAGAAGAGGCACCTAGACGTAGAGAGGAGGTTT
CTCGTGATTTATACCTAAGCGAAAGGGACTATCGAACATATGGGCTCCGGGCAGAGAGAAGAAATTTAGACC
CTGTATCTCGATCTTCTTTAGAAACATACCGCGGGGATCAGGATAGGGACTATCAACTGAAACATCTAGAGCC

TAGATACAGGGATGATGTCTCGACACACGCACAGAGAGAAATAGTCCGTGCGGATCAAGTATACTTTAACGG
GAAAGATTATCCAGTTTACAGCATTGATTCTAGACAGCAAATATCACCTCTAAGACCAATATCTGCTAGTGGA
CAGAACACAATGCTTATGATTTCGATTACAGTCGTAATATGGCCTTTCCTCGATTGATCCATATCTGCTTTCAT
CAAGGAGGGAGGAAGCAGCCCCTCAACTTATTCAAGAAGTTATGTAGCTGATGCTGAACCCATGAGACATG
CTGCTGGTGTCTATCGCATTACAATCAAGTGCCTATAAAGATGTGGAAAAAGATACAATGCCGGTTTCATC
GCGATACTCATTGCGCCGTCCTTCATTCTCTTATCGCTAATTTAATTTCCATTTTTCTGCTGGAATTCCATATAGC
ACAAGAACTTTGATTGAGTATGAAATTTTGGTCTCAGACCCTCTTTGTGCAGTTGGAATTCCATCTTACCCTTT
TAGTAGTGATAATGTGATGATGGGGGAAATAGGGTTTCGGCCGTTGTATTGGATTATGTTGGCGAGTGCCTA
ATTACTTGCAAGATTGCTCTATCAAACCTGGGGTTCTTAATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_295 AY220481|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 induced kinase 1 (ACIK1) mRNA, complete
cds

AAATTAATAATAGTAGTAGTAGTAATAACGATAGTGTGTAGATTATAGAGAAGAAAGAAAAAAGAAAGAAA
GAGAGAAGGAATGGCGGTGAAGAAAATGAAGTGAGATCCATATCCTCCAGCTGCTGCGAGGTGGAGTCCC
AGTCGTCGGAGGTGATGAAAGTAGTGGCCGCCAATGATAAGCCTAGTTCCTTCCAGAGGATTTCCAAAATCG
ATTTCACTAACCTCACTCAACCATCTCCGAGGATCTTTCAATCTCTCTTGCCGGATCTGACATCCACGTCTTCA
CCCTCGCCGAGTTGAAGCTCATCTCTCAGGCCTTCTCTTCTCAAACCTTCTTGAGAGGGGTGGCTTCGGCCCC
GTCTACAAAGGCTTCCTCGATGACAATCTCAGGCCTGGCTTGCTCCCTCAGCCCGTCGCCATTAACTCCTCGA
TTTGATGGAACCCAAGGCCACAGGGAGTGGCTGACGGAGGTCATTTTCTAGGGCAACATAAGCACGCCCA
TCTTGTCAAGCTAATTGGATATTGCTGCGAAGACGAACATAGGATGCTTGTGTATGAGTATATGCCAGAGGA
AGCTTGAGAAATCAACTTTTCAAAAAATATTCAATCCATTGCCGTGGTCCACGAGAATGAAGATCGCTCTTG
GAGCTGCAAAGGGTCTCGCCTTCTACACGAAGCAGATAAACCAGTCATTTACCGAGATTTCAAAGCCTCCAA
CGTACTGCTTGATTCTGATTACACTGCGAAGCTGTCTGATTTTGGTCTGGCCAAAGACGGTCCAGAAGGAGAC
AACACTCACGTCTCCACCCGAGTAATGGGTACACATGGATATGCGACGCCGGAGTATATAATGACTGGGCATC
TGACGGCGATGAGTGTGTATAGCTTTGGAGTAGTGCTTTTGGAGCTGCTGACAGGACGGAGGTGCGTGG
AGAAGAGTAGCCGTAAGAGACAACAGAATTTGGCCGAATGGGCGAGGCCGATGCTGAATGATCCCAGGAAG
CTAAGCCGTATAATAGACCCAGACTTGAAGGCCAATACTCCGAAATGGGAGCTCAGAAAGCAGCCTCGTTG
GCTTACCAATGCTTAAGCCACCGCCCAAAGCAGAGGCCACCATGAGCGCCGTCGTCAAGGTATTAGAGCCAC
TCAAGGATTTGATGATATTTCTTCAGGCACCTTCGTTTACACGGTTATGGATCAGCCAAATTCAATTCAAGCCT
GAACCTAAGATGCAGGGGCTGGTTAAATGAAAATCATAAAACCCAACCTGTAGATATACAATTACAGAGGATT
TGGTGCCTTTTTTGGTTCTTGGTCAAAGGGGATCGTAATTATAAATTAATTGCGATGCCATGAAGGAGGATCA
GTTGCTTCATTTCTCCTCAACACACGGATCTATTGCATTAATTAATTTTGTGGTGTGTTGCCAAAAAAA

>trans_s_296 NM_001057872|Oryza sativa Japonica Group Os03g0758900 (Os03g0758900)
mRNA, complete cds

TTCTGCTTCAGCTTTAATGGCGTCCATTTGCCATTCAATTTGCTTCCTTCTACAATCACTACGCTCCGACCTATC
CACCCCTTTCTTCCCATTTCAACTTCTACCTTTCACTTCGGAGCTGCAAAATTCAGCCACCACCTCAAAGTCAT
CGACCGCCGTTGGAGATGCTCGGGAACCTAACGACGACTCAATGAGCATCGATAATCTTCATCGCTTCTTCGA
GCTCAACTCCGGAAAGTGGAACGGTTCTTTCTTTCAATTTGACGTTTGAAGGAATTTGCTGCGATGAAATAAGTA
CGAAGCTAGCTGCGAGCTCTTATGGAGAAGACGAACCTATCAGTCTCATTCAAACACTATATATAAAACAGAA
ATCAAGTGTTTCGCTTCTTGTAAACGACGACGAGCCGAGTGGGCGAGGTATAAAATTAAGAAACCAACAT
GTTCACTGTGGACAAATATCAGCAGATTGGCTTTTTCCCAACGAGAAAGCATTTTCTTAAGGTACCAGACTG
CTGGAATGTTGGATACTGTGCTGAGGGAAGGGGTGCTGGGTGAGGATGATACTGGTGAAGAATTTCCCAA
AACCTCAAGCTTCTTCTCGCCGACCTTCAATTGTATGCGAGAATTGCCTATATATTCCAGACAGAGATCTGAG

GGCAAGAGCTTTTCATATAATGGACCCACAAGGAATTATAGAAATGCTGCTTATTTTTCTCGAGGAAAGGGCT
GATGGGAAACTTTTTCGTCGTCCTCTCAATTCAAATTGCGTGTCTGATGAGGAAAACCGGCTTCTCCCTTTTCTT
GGTGACTGGAAAGGTCATTCTAGAACAAAAAGAAGTGGTGTATGGGGCTACGATTGCTGAGGCTGATTCT
TTTTCATCCCTTCAAATGGACGACAATGGTCAGATTATCCAGGATATCACAACAACATCAATGAATGGAGATGT
CACCACAAACGTGCATTGGACTGGTACTAAATTGGACAACCTGGTAACGCTTGACGGCGGGTATCAGATTACA
TTGTTGCCTGGTGAATGTATATGGGATGTCCGTGTGATGTAGCCAAAAGTGTAGCAGATAGTAAGTCATTCC
ACCTCGAGTTCTGCTGGCTTGAAGCCCCAGGCCAAAAGACAGAGGCTGGTCCGAACTTACGACATGGAAGGTT
TGGCTGTCTCATCAACCTATTTTTCTGAAATCAAACGTGAGTGATCCTTCCATCTATCTATTGCACCTCCATTA
GAAAGAAGCAATCCTAAAATTATCCAGATGTATAGCAGTTCATGTTTGCTTATATATAAACTTAGATTATATG
AGGTAGAAGCCAGATTTTTGTTATCAAAATTGTGATGCATGAACAATTTGTTATGTATTGAAGAATACCCATAG
AAAGATTAATAATACCATCATCTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_297 NM_115601|Arabidopsis thaliana VLN3 (VILLIN 3); actin binding (VLN3) mRNA,
complete cds

TCATTCAAGCGACCCCAACCAACTTTGATCTCTCTCGCTCCTCTGAATTGTAATCTCAAAAGGCTGAAAAGTT
GTGTTGTGAGAGAGAGAGAAAAGAGAAAACAGACACATACAGCAATAATTCCCACTTTTCTTTTCCAACATCTT
CTATATCTTTCTTTATTGCCAGCTCTGCGGCCCGCTCTCCCCATTCCGCTTCTTGCAATTCCTAATCATTCT
CTCTCTCCACCCTTCATCTTCACAAGGGTGCGAGAGATCTCCGTGCAGTGAATTCTTGCGGCATATCCTAATTT
CAGCGAAGATAATTTAAAACTGCCTGATTCTCTCGCACTAAAGAGATAGTAGCACAGAAATATTCTCCAAT
GTCAAGCTCTGCCAAAGTCTTGGATCCTGCATTCAGGCAGTTGGACAGAGAGTTGGGACAGAAATCTGGCG
AATTGAAAACTTTCAGCCTGTTCCGCTGCCAAAGTCAGATTATGGGAAATTTACATGGGGGATAGTTACATA
GTTTTGCAGACAACACAAGGCAAAGGTAGTTCTTTCTCTATGATATACACTTTTGGATTGGAAGAGATACTAG
TCAGGATGAAGCAGGAACCTGCAGCTATTTAACTGTGGAGCTTGATGCTTCTCTTGAGGACGTGCAGTACA
GCACAGAGAAATTCAGGGCCACGAGTCTGAAAAATTCTGTCACTTCAAGCCTTGCATCATACCATTGGAG
GGAGGTGTTGCATCTGGCTTTAAGAAACCTGAGGAAGAACAATTTGAAACACGGTTGTATGTTGTAGGGGA
AAGCGAGTTGTCCGAATGAAACAGGTTCTTTTGCTCGTTCACTAAATCATGATGATGTGTTTCATCTTAGA
CACTGAGAGCAAGATATTTCAATTCAATGGTGCGAACTCTAATATCCAGGAGAGGGGCAAAAGCTTTGGAAGT
GGTTCAATTCTGAAGGATAAAAATCATGAGGGGAAGTGCGATGTTGCAATTGTTGATGATGGGAAGCTGGA
TACTGAGTCTGACTCTGGTGAATTTTGGTCCTATTTGGTGGCTTTGCCCCATTGGGAAGAAAGTAGCTAGT
GAAGATGATATAATTCAGAATCTGCTCCTGCAAAGCTTTACAGCATTGATGGTGGTGAAGTAAAGTTGTGC
ACGGCGAACTATCAAAATCCCTACTGGAATAATAAATGTTATCTGCTGGACTGTGGTGTGAAATATTTGTT
TGGGTTGGAAGAGTGACCAAGTCGAGGAGAGGAAAGCAGCAATCCAAGTAGCTGAGGAATTTATTGCCAG
CCAGAATAGGCCAAAGGCAACTCGTGTTACTCGGGTTATACAAGGTTATGAAACACATTCTTTCAAGTCCAATT
TCGAGTCTGGCCAGTTGGATCAGTGACTACAGGTGCTGAGGAAGGAAGAGGTGTTTTGGCT

>trans_s_298 AF264146|Gossypium hirsutum bifunctional lysine-ketoglutarate
reductase/saccharopine dehydrogenase mRNA, complete cds

TCATTGGCATATAAATTCAGTTGGAATCCTGCTGGGGCTATTGAGCTGGAAGCAATCCAGCTACATACAAAT
ACGAATGAAAAATAGTAAAAGTTGAAGGAAAGGATCTTTATGACTCTGCTGTGAGACTACGCTTACCTGACCT
TCCAGCTTTTGCTTTGGAGTGCAATTCAAATCGAAATTCCTTAATTTATGGGGATGTATATGGCATTGGGCATG
AGGCATCAACCATATTTTCGAGGAACCCTACGCTATGAAGGTTTTAGCGAAGTGATGGGAACCCTGGCAAGAA
TTGGATTTCTAGACGCAGAAGTTCATTCCTTTCTTAGGAACGGGAGACCACTGTTTCGAGATTTCTTGCTTGAG
CTTCTCAAAATTAAGGGAGTCTCGAGTGGCTCCACCATTGGAGAGAAGGCCATCAGTGAGAGCCTTATTTCAA
GTGGACTATGTAAGGTGCAAGAACTGCTGTAAAAGTAGCCAAAACAATCGTATTCTTAGGACTTCATGAGCC

AACAGAGATTCTTCATCTTGCCAAAGTGCATTTGATGTTACCTGTTACAGAATGGAAGAAAGGTAACTACT
CGAAAAATGAGCAGGATATGGTACTTCTACATCATGAAATACAAGTAGCAACACCAGATGATCAACAACTGA
ATGTCGCAAGGCCACGTTACTAGAATTCGGGACGACGATGAATGGAAAGAGCACCAGTGCAATGGCTCTTAC
TGTTGGTATTCCAGCTGCTATTGGGGCTTTGCTTTTACTGACAAACAAAATCAAGACTCGTGGAGTTTAAAGGC
CCATTGAATCTGAAGTTTATATTCCAGCCTTGGATCTTTTACAAGCATATGGTTTCAAACCTAACAGAGAAGGT
GAATCCTAGCTTTGGTTCTTTCTCACAATAATAAAGGGTACAATCACCTAGCAAAGTAATATAGTAATAAATAA
CTAAATCCTACTATAGTAACATGGAAACCAATTATCATCTTGATCTAATACTCAAAAACAACCCTCAAAAATTA
TTTATATGTGGCCGTTACACTAGAATCTCATCAGAAAATTTTGATCTCTAGCAATTGTAACGCTAAAATCTATCA
ATAGAGTTTCTATCGATACTAGTCCTCTAGCATTGAACTCATTTTCATGTAATCTCTTCAAACCTAAAGCTTTCAA
AGTCGTAGGATCTTTTCTCTGTTAGAGAATTTCTCTAACCTCTCTTTTTCTGTTCCATCTCAAAGAGAAATTAA
CAATTCTTTAGAGGAATTTTATGATGGGGTTGGAGNTTGGGGGTTTTCATGACGAGAGGTAGAATTTTACAT
TCTATATAAATTTAGTATAAAAAGAACAATTTATGGCAAGTAATGCTCTCCTTTTTCACTTTGCTTATAAATCAA
ATTGATCGACTCCTTTTATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_299 AB326233 | *Daucus carota* FEN1 mRNA for nucleoporin 98, complete cds

CATCAACAACCTCTCAGTTTGGCAGCTCATCTTTATTAGTTTCATCTAACACTCAACCCCTTGCTTCACAATCTGC
TTTTAGTTCAACTACATCTCCAGGAACAAATCTTACATTTCTTCCAGCTTAAATTTTGGTAACACTCAATCATCT
TCGCTCTTCCAATCCACAACACCTGCAATTGGGCAGACAGGTTCAGCCTTTGGCGCTCCCTTTTACAATCCAG
CTTGTTTAGTCAACCTTCGTCTGGGGTTGGTGGGAATCTTTTCTAGCTCGCCATCACTCTTAACTTCAAGCAA
TCCAATGGGTTTTGGTCAAACATCTGCCCTTTCTCCATGCCTTTTCAACCAGCACACAACAGGCACCCACTTC
CTTCTTTAGCAACTTGGGTCAAGGCTCAACCAATTGGTTCAAGTGGTTTTGCAGGAACCTCAAGCATTTTTGGCC
AGAGTAATTTTGGACAATCGCCCATCACCCAGACCCCTGCAGTACAACCAGCACCTGCTACCAATCCATTTGGG
AACTCCCTGCAATGCCACAGATGTCAATTAGTAGACCAGGAGCAGCACCTTCTATTCAATATGGAATTTCCAG
CATGCCGTTGTTGATAAAGCGGCTCCAGTCAGAATATCATCTTTCTTGACGCCTCGCCACCTATCTCACAGAC
GGATGAGATTGCCTGTGAGAAAAATATAATCCTAAGAATGATGGCAGTCCAAGGGTTCCATTTTTTCAGTGATGA
TGAAGAAACACCTAGCACTCCAAAGGCCGATGCTCTTTTTATTCCAGAGAGAATCCTAGAGCATTGGTTATTC
GTCCACGGATCAGTGGCCTTCAAAGCCAATTTAGATAAAAGTTTGCCATCGAAGGACACCTCAGTGCCTGA
AAATGGGAAGATTGCTGAACGTACTTCTCGGCCGTCAACAATTTGAAGGATACCAATGGAAATGTTGTTGAG
AATGGTATTAACAAAGAAAGCATCCATCTCAACAAAGTTAACCAAAAACCAATGGGGTCCATGAGGATCACT
CTGCGCCAAAGGAGGAGTTGTATAGGACATTTGCAGGGCAGAGCTGGTGAGGCTGCCATTGTTTATGAAC
ATGGGGCGGATATTGAGGCATTAATGCCAAAGCTTCGGCATTAGACTATTATACCGAGCCAAAGATTCAAGA
ATTAGCTGCCAAAGAAAGGGCCGAACCTGGGTTTTGTGCGCATGTTAAAGATTTTGTGGTGGGTCGCCATGGT
TATGGAAGCATTAAATCTTTGGTGAAACAGACGTGCGAAGGCTCGATCTAGAGTCCATTGTTCAAGTTTAAACA
ATCGTGAGGTGATTGTTTACCTCGATGAGAGTAAAAACCTCTTGGTGGGCAGGTCTGAATAGCCTGCTGAAG
TAACAATACTCAACATCAATGTGTAGAACAGCAAACCGGGCATCATATACCG

>trans_s_300 DQ116445 | *Gossypium hirsutum* 24-sterol C-methyltransferase (SMT1) mRNA,
complete cds

TTCTTGTTTGTAGTTCGTCCGGCTTCACCTTTTGATTGTTCTATAAAAGACTCCTCTTCGAATTTTCATCATTTTT
TCCATTTGGGTTTCTTCTCTCTCAGATCTTCGACGTAATGTTCAACTCAAATCACACCCACATACTCATTCTTCT
TTCTCTTTTCCATTTTCATTTTCTGTAATAATCCTCAACAAATCCTTCGATTCTCATTCTCATTCTGATTCTTTC
TTTTGCTTCAATTCTACTTTTAGATCTCCAGACACCGTTTTTTTTACGTACCCATGTGAAAACTGGAGCGTTAG
ATCTTGCATCGGGCCTTGGTGGCAAGTTGGAAAAGAACGACGTCCTTCCGCCGTTGAAAAGTATGAGAAATA
CCATGTCTGTTATGGAGGTGAAGAGGAGGAGAGAAAAGCTAACTACACTGACATGGTTAATAAATACTATGA

TCTTGTACAAGCTTTTACGAGTTCGGTTGGGGCGAGTCGTTCCATTTTGCACCTAGATGGAAAGGCGAATCT
CTGCGGGAGAGCATTAAAGAGGCACGAACACTTTCTTGCTTTGCAATTAGATTTGAAACCTGGATATAAGGTGT
TGGATGTTGGATGTGGAAATTGGTGGGCCGCTTAGAGAAATTGCGAGATTAGTTATACTTCTGTTACTGGAT
TGAACAACAATGAGTACCAGATTTCAAGAGGAAAGGAGTCGAATCGCGTTGCAAAAGTGGAACAAGACTTGTG
ACTTTGTCAAGGCCGACTTCATGAAAATCGCCATTTCCCGACAATTCATTCGATGCAGTATATGCAATTCGAA
GCTACTTCGTATCGCACCAGACGCATATGGGTGCTACAAGGAAATTTATAGAGTACTAAAGCCTGGCCAACG
TTTTGCTGCTTATGAATGGTGTATGACAGATGCTTTTGATCCAAATAATCAAGAACATCAAAAGATAAAGGCA
GAAATTGAGATTGGTGTATGGTCTTCAGATATCAGGTTGACAGGAAAATGTCTTGAAGCTTTAAAGCAAGCA
GGCTTTGAGGTTGTTTGGGAGAAAGATCTTGCTGTAAATTCGCCTCTTCCGTGGTACTTGCCTTTAGACAAAAG
CCATTTCTCATTGAGTAGCTTCCGTCTAACAGCCCTTGGTCGTTTCACTACTAAAAATATGGTCAAAGTATTGGA
GTTCAATTCGACTTGCCCCAAGGGTAGCCAAAGAGTTCAAGACTTTCTAGAGAAAGCTGCTGAAGGGCTTGT
GAGGGTGGAAAGAAGGAGATATTTACGCCAATGTATTTCTTCTTAGCCCGGAAGCCACTTTCAGCCACTGAGT
AGTTTGACAATGCATATTAACCTATTTGCTGCTGCTACTCAGTTATGGAGTTTTTGCAGTCACCCTGAAGAATAT
GTTTTTGGCTTAATTTAACCATTTTAGAGCTTTTTTTTTCTTTTTCTT

>trans_s_301 GU732479|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D55)
mRNA, complete cds

ATTTTTCATCCCAATTTCTTTTCTCAGATTTCCAAAAATCCCCAATTTTCTCTCTCTCTCTCAAATCTTTTTT
CACTCAGCTGTTTGTGTTTCTTCTTCTTCAATAATGTGTGGAGGTGCTATAATCTCCGGCTTCATTCCGCCGA
CTCGCTCCCGGCGAGTCACCGGCGAACACCTTTGGCCTAATCTGAAGAAACCTGCCTTCGGAAATCAATTGTC
CAAGCCGGTTAAGTCTGATATCATTGACATTGATGATGATTTGAGACTGATTTCAAGCATTTCAGGATGATT
CCGATTTGGAATTTGATGTGGAGGAGCTCCTCGATACCAAACCTCTTGCCTTTTCTGCTGCTGGAAACCTCCT
GTTCTTCAGCTCGTGCTTCAAAGTCTGTAGAATTCTCTGGACAAGCAGAAAAATCAGCAAAAAGAAAGCGAA
AGAATCAGTACAGGGGAATCCGACAGCGACCATGGGGTAAATGGGCTGCAGAAATTCGTGACCCACGTAA
GGAGTTCGTGTGTGGCTGGGCACTTTTAATACTGCTGAAGAAGCTGCTCGAGCGTATGATGCTGAAGCACGA
CGAATTCGTGGAAAGAAAGCTAAGGTAACTTTCCCTATGAAGCTCCACGAACCAAGTGGAAAACGTTCAAGCA
AGCCAAACCTTCAGGAACCACTTCCCAAACTAGCTTGGCAAAGACCCAACCAAGATCCAATCCAGAACAATA
TTTCGTGAATAACTCCGATGAAGCATACTATAGCACAATGGGTTTCTGAGGAAAAACCACTTACAAATCAA
CTTCCCAACATGGATTCATTGGCTATGAATGGAGATATTGCAATAAAAACCAAGTCCAGCTTCTTCTGATGTTGC
ACCCATGTACTTTAATTCAGATCAAGGAAGCAACTCCTTGATTACTCTGACTTTGGATGGGGAGAGCAGGGT
GTAAGGACGCCTGAAATCTCGTCTTTTCTCTCAGCTGCCATGGACAATGAAGATTCTCACTTTGTGGAGGATGC
TTCTCCAAAGAAGAAAGTCAAGTATAGCCAGAGAATACGGTGGTTTCTCAAGGCTCTGAGAAGACTTTATCT
GAGGAGTTGTCTTCTTTGAGTCTGAAATGAAGTACTTCCAGATGCCATATCTCGATGGCAGCTGGGATGCAT
CAATGGATGCCTTCCTTGCAGGAGAGACAGGGAACAGGACGGTGGAAACTCAGTCGACCTTTGGACCTTTG
ACGATCTTGACAGGAATGGTTGGCAGTGTCTTCTAAGCAAATCTTTCCAGCTTGCTAGGTTATGTAAATAAAAG
CTACATATTAGTGAGTTTGACCATCTTTATATCAGTTCCTCCCTAAGTTTTTCAAACATGTATACTCCTTCCTTAA
GGATGATATGATATATCTTTGTTTTGAGCCCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_302 NM_128855|Arabidopsis thaliana COP1 (CONSTITUTIVE PHOTOMORPHOGENIC 1);
protein binding / ubiquitin-protein ligase (COP1) mRNA, complete cds

AGATGATGAGTTATTTGCTACAGCTGGTGTCTTCGATGCATAAAAGTCTTTGACTTCTCTTCGGTTGTTAATCA
GCCTCTGATGCCCCACTGTCCTATAGTGGAATGTCAACACGTGCAAAATTAAGTTGCTTGAGTTGGGATAAA
CAATCAAAAAACATAATAGCTAGCAGCGACTATGAGGGTATAGTAACAGTTTGGGATGTAAATAGAGGGCAG
AGTGTGATGGAGTATGAAGAGCATGAAAAGCGTGCTTGGAGTGTGATTTTTCCGTACAGAACCGTCAAGG

CTGGCGTCCGGTAGTGATGATTGCAAGGTCAAAGTTTGGTGCATGAAACAGGAGGCCAGTGTTCTTGATATC
GACATGAAAGCCAATATATGTTGTGTCAAATTCAATCCTGGATCTGGCAATCTCATAGCTGTTGGTTCAGCAGA
TCACAATATTCATTATTATGATCTAAGAAACATCAGCCATCCACTTCACGTCTTCACCGGTCACAAGAAAGCTG
TGTCATATGTAAATTTCTATCGAACAGTGAGCTTGCGTCTGCATCTACTGACAGCACTTTACGATTATGGGAT
GTAAAGGAAAATCTACCAGTTCGGACCTTTAGAGGCCATACAAATGAGAAAAACTTTGTTGGTCTGACCGTGA
ACAATGAATACATTGCTTGTGGCAGTGAAACAAATGAAGTCTTTGTCTACCACAAGGAAATATCCAGACCACT
GACGTGGCATAGGTTTCGGTTCACCTGATGTAGCTGATGTGGAGGATGATGTGGGATCTTATTTTCATCAGTGCT
GTTTGCTGGAAGAGTGACAGTCTACTATCCTCACCCTAACAGTCAGGGAACAATTAAGGTGCTGGTCTTG
CGGTTTAATAAGTTTATTTGACCATTTAGGAAGAGATTCTATAGAGATGCGTCTTTAGCTCAATTGTATGTAAT
GCTCACACAATAGTTTCACATATTAGGGAAATGCAACATAGAAGGGTCTTTTTGAGTTAAGGCTATGTGTACCC
ATCAAAAACCTGGGTGGGTATTTTAAACCTAGCCTCAAGTCACCATCTATTCTCTCTATCCACACCCTATT
CTCAATAGTCAATTATGTCCTTGAACCAATCATCGCTTTGGAAGCTAAGCTAAGATTGTGTTCTTTAAAATGGTT
ATGAATACGATGAACTACTAAATAGAATGCCCTCATACTTGTAACAAGCCTTGAAATAGCATCTTCACTTGTA
ATGAGTCTTAACATGGAATTGTAAAAAATGGGGTAGTTTGGGAGAGCAAGCGTTTGGTGGACTTGACCGTG
AGACAGTGAGAGAAAGGAATTGACTAATGTATAATTCCAGTGTTTGATTTCATTCTTATTAGACCATGTCTT
CACTTTAAAATGTANGAGTTTGTCTATTCTTTTTCTGCTCCGAATGTTCTTAATAG

>trans_s_303 NM_125533|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT5G61400) mRNA, complete cds

AAAAGATTGAATTCAGACCCCCAGGTGCAATGTTGATGCAGGAGGAAGCAAGCCTTCACTCACAAATCATGT
CGCTTATACGGCTTTAATCCATGGATTGTGTCAGGATGGGCAATTTTTTAAGGCAGTGAAGTTGTTTCAGACA
TGAGACGTTACGTTTGCAACCAGATGAAGTGATTATGTAGTCATGTTACAAGGGCTCCTCCAAGTTAAACA
CATCCTGATGATGCTACAGGCAAACATGTTAAAATTTGGTTTTATCCCGAATTCAGCGGTCTACGTGATATTAT
GCAAGTGTTATCAAGAGAGTGGAATTTCTGAAATCGGCTCAAATTTGTTCCAAGGATCTTGAGGAAAATCTACA
GAGGCTATCTAGCTGTGACTAGAGAAGTTTTAAGCATCTTCATTGTCTTCCTCATGAAGCCGAGTTAAAAAAA
AAAAAGTGACCCAAAAAACCAGTCCATTCTCTCTTTGCGAACACTATGGAGCTTGATAAAGCTTACTCTTGTT
GATTCATATGGAGCCCAATACTCTCACAAGTTCGGATCATATCTTTTATTGGGAAATTGAGAAATTGGTTGGG
GATGAAGGGAAGGTGGTTTACTACAGTGAAGATAGAAGCGAGTTTCACTACTGATCCGGAGGAAGATAAAA
AATCAGGGCCCTTGGGGTTGTAATCAATGCAGAATTATTTTGTATATATAACTTAGAATCTAAATTGAATACAG
TTTATTTTATTCTTTTTTATTCTTTTACAGAAAACCTTTCAAATCACTAAAGAAATGGCTTGAAAAGGCA
AGAAGTTGGATAATCATCCATTATCTGGGTCATAAATTTATTTGATGGTTCATCTCCCCCATTAGAGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAAATTTATCAACCCCC
CAACCCCGGGGGGGGGCCCCGACCCCAATTCCCCCAAAGGGGGCCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCCT
TTTTAAACCCCGGGACGGGAAAAACCCGGGGGTTCCCAATTAACCCCTGGCAGAAAAACCCCTTTTCCC
CAGGGGGGGAAAAACAAAAAGGCCCCCCCCAATCCCCCTCCCCAAATTTGCCACCCGAAAGGGGAAAGG
GAACCCCCCGGAACCGGCCATAAACCGCGGGGGGGGGGGGGTTACCCCGAGGGGGCCCCCTACCTTGG
CCAGCCCCCTACCCCCCTCTTTTCTTTTTTCCCTTCTTTTCTCCCCCTTTCCCCGTTTTCCCGTAAAGTTT
AAAACGGGGGGCCCCCTTAGGGTCCCAATTTAGGGCTTACGGCCCCCGCCCCAAAAA

>trans_s_304 XM_002864431|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ndr family protein, mRNA

AGTAGCGAAGAAGGGGAGGAGGATTTAGGGGAAGAGAGAGAGGTGAGAAAATTAGGAAAGAAGGGAAAT
GGGGGATTCAAGCGACTCGGTTTCGGTGGATATGGAGTCGATCTCTTGTGGAGGAAAGGAGTATCTTGTGAA
AACCTGTTATGGTGTGTTTCTGTACCGTGTTGGAGACCTGGACAAGCCAGCTCTAATCACTTATCCTGATT

TAGCTCTAAATCATATGTTCTGCTTCCAAGGATTAATGTTTTGTCCAGAAGCTTGTTTCGTTATTGCTTCACAACT
TTTGCATATATCATATCAGCCCTCCTGGACATGAGTTAGGAGCTGCTGCAATTTGCCCTGATGATCCTGTACTTT
CTGCAGATGACTTAGCAGATCAAATTGCTGAAGTTCTTAACATTTTGGACTTAGTGCTGTCATGTGTATGGGT
GTTACTGCTGGGGCATACATCCTCACTCTCTTTGCAATGAAGCACAGACATCGTGTTTCATGGTTTGATATTGAT
TTCTCCTATATGCACAGCGCCCTGTTGGACAGAATGGTTGTATAATAAGGTGATGTCAAATTTGCTTTATTTCT
ATGGCATGTGTGGTGTAGTGAAGGAGTTGTTGCTAAAGCGGTATTTTCAGTAAGGAAGTTCGTGGTTGTTCTCA
AGTACCAGAGTCCGATTTAGTTCAAGCATGCAGAAGATCACTTGACGAGAGGCCAAAGTTCAAACGTCTGGAG
GTTTCTTGAAGCAATGAATGGGAGACCCGACATTTCAGAAGGGTTACGGAAACTAAAGTGCCGTTTCGTTGATA
TTTGTTGGGGACAGGTCCCCGTTCCATTCAGAGGCTCACCACATGACTATCAAACCTAGACAGAAGATACAGTG
CCCTAGTGGAAGTTCAGTCATGTGGGTCAATGGTGACGGAGGAGCAGCCTGATGCAATGTTGATACCTATGG
AGTATTTTCTCATGGGATATGGCATGTATAGGCCATCTCATTTTAGCGTCAGCCCCGAGAAGCCCCCTTGAGCCCT
TCTTGATCTCCCGAGCTTCTGTACCAGAAAGTATGGGATTGAAGTTGAAACCAATTAACAGGAATCTCCT
TGCAAGTCTAGAATGACAAGACGATTGAAGGAGGCACAGCATAAAATAAAGATCACTTTTTGTATTTATATGT
ACTGCGAGGAGTTGGGACAGTTTTTTTTGTTTTTCTTTGGCAATCCATCAGTTCGTGAATGAGAGGTGTGGGT
GTGAGGTGTAGATAAAGAAGGAAACAGGATATTTCATAGCGAANACTTCTAGGCAGAAATCAGAAATTGTCA
TTCTTTCATTTGTAATCAAAAGAATTAGTTGATGAGGAGGGCGCCATTCTCTGTAATCTCAGAATTATTTATTT
TCAATAAATAAATAATGTTTTTAGATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_305 HQ009848|Gunnera manicata TIP41-like protein mRNA, complete cds

AAGAAATAGGAGCAGCCACGACGCCAAGCTCTTGCCTCTTGTAAATGGAGGTTGAACCAGACGAGAAGGAATT
GAAAGCCGCCGAGCTCAGCTCCTGCCTGACGGACGGCGAGGCCTACGAATACATGGTTGGGAGATCGAGA
CTCACAAGCGTTCAATTCTTACCTCCTCCAATTTGAGCAATGGGAACAGAACTTCAAACGTCTCACTTGCCA
GAGATGGTGTTCGGTGACAGTTTGTAGCTCTCAAGCATGAACTGGAGTTCAAATTTATTTAATGCCTTTGA
TGCTCTAACTGGTTGGAAAAAGGAAGCTCTGCCTCCTGTTGAGGTTCTGCAGCTGCGAAATGGAAATTCAGA
AGCAAACCTTCGCAACAGGTGATATTGGATTATGATTATACATTTACAACACCATACTGTGGAAGTGAAAGAA
TTGAAGCTGATACAGAGAAGCATGGAAGAGAGCAAACATGTGAAGAAAGCAATGGTCTCTGCTGGGAGGAT
TGCAAGGAGAAAATTGATTTAGTCTCACTCTCACTAAAGGAGCCTATTCTCTTTTATGATGAGGTAATCTTGTA
TGAGGATGAGCTGGCTGACAATGGCATATCACTTTAACTGTGAAAGTGAGAGTCATGCCAAGTGGTTGGTTT
CTTCTTTTACGTTTCTGGCTTAGAGTTGATGGAGTGCTTATGAGATTGAGGGGACACTCGTATGCATTGCATATT
TAGCAACAGAGAAAATCCAATAATTCTTCGAGAAAGTTGCTGGAGAGAGGCTACGTTTCAATCTCTCGCTGAA
GAAGGATATGCGTCTGATTCTGCGGCCTATAACGATCCGAGCGCCATCTGCGACAGACTCCAGATTATCATGC
AGAAGACCCAAAAGCTTAGAGTCTCTGGTAAATTATAATCTTGTAATTTGATATCACAAGTGATTAGCATTTT
ATCGTGTATGTTGGTTGCTGAAGTTTTTCACTTATATATATTTATTTCAAGGCTTACGTTGGATAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCA
AAATTTAAGGGAACCCCCACCCCAGGGGGGGGGCCCGGACCCCATTTCCCCAAGGGGGGGGGGAATACC
CCCCCCCCGGGGCCCCGTTTAAACCGGGGGGGCGGGGAAAAACCGGGGGTTTCCCAATTTAAATCCTTTG
GGAGAAGTCCCCTTTTCCAAGGGGGGGAAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCCTTTCCCCTCCCAAATTTGGC
CCCCCGAAAGGGAAGGGAACCCCCCGGAAGGGGCAATTAAACCCCGGGGGGGGGGGGTT

>trans_s_306 NM_106063|Arabidopsis thaliana IMS1 (2-ISOPROPYLMALATE SYNTHASE 1); 2-
isopropylmalate synthase (IMS1) mRNA, complete cds

TAAAGGCTGGGGCAACTACTCTCAACATACCTGATACTGTGGGTTATACAATGCCTTTTGAATTTGGGAAGTT
GATTGCTGATATAAAATCTAATACTCCTGGCATTGAAAATGTTATCATTTCAACACACTGCCAGAATGATCTTG

GACTAGCAACTGCTAACACAGTAGCAGGGGCATGTGCAGGTGCAAGGCAAGTTGAGGTCACAATTAATGGCA
TTGGTGAGAGAGCTGGAAATGCTTCACTAGAGGAGGTGGTAATGGCCTTACAATGTCGTGGAGAGCATGTGC
TTGGAGGTCTTCATACTGGAATTAACCCAAGACATATCTTTTAACTAGCAAGATGGTAGAAGAGTTCCTGGT
TTGAATGTACAACACACAAGGCTATTGTCTGGAGCTAATGCTTTTGTCTATGCAAGTGGCATCCACCAGGATG
GGATGCTTAAGCACAAAGGTACTTATAAAATCATGGCCCCTGAAGATATTGGCTATGAACGATCCAATGATGC
TGGTATTGTTCTAGGAAAACCTAGTGGACGGCATGCCCTTAAAAGTCGCCTTCTAGAGCTTGGTTATGAACTT
GACAGTGAGAATCTCCACAATGTATTCTGGCGTTTCAAAGCAGTGGCTGAACAAAAGAAGAGAGTTACAGAT
GCGGATCTTCGAGCTTTGGTATCCGATGAAGTTTTTCAACCAACTGTTCTTTGGAAGCTCTAGATTTGCAGGT
TACTTGTGGAACCTTTGGTCTTTCCACTGCTACAGTTAACTCCTTGATGCTGATGGGAAAGAGCACATTGCTT
GTTCTGTTGGAACGGGTCTGTAGATTCAGCTTACAAGGCTGTGGATCTAATTGTTAAGGAACAGCAACCTT
TCTCGAGTATTCAATGAATGCCGTCACTGAAGGTATCGATGCAATTGCCACGACGCGTGTCTAATAAGAGGG
GACAAAAGTTACACGTCTACTAATGCATTGACTGGAGAAGCAGTTCAACGAACATTTAGCGGTATTGGAGCA
GGGATGGACATAGTTGTATCAAGTGTCAAGGCCTACATTGGTGCTCTAAATAAGATGCTTGGTTTTCAAGGGA
TTGACATTAAGGAGACTAAAGAAAAAACATTATCTGCTTAAAAAACTGATTGATTCTTGAAGGAAGGATGATG
GTGGCAGTCTTTCATAATTAAGTCTTATTATCTAATTGTGGTTTGTAAATTTAGTTGTGTTTTGTGTTATTTGAACT
CTTTCTTTGTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTAGTCGTTGTTTCCTTAGTCGGTTATTTGTGT
TGTAGTTTTTACACAGTGAAGTGGCTTTTTTTAGTAAAATAATGATCATTATTATAATAAAAGTTTTATCAGTC
ATTTTATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_307 DQ205523|Vigna unguiculata digalactosyldiacylglycerol synthase 1 mRNA, complete cds

ATTTAGCACAGTCTGCAAAACAGAGTGTAAACATTATTAGTTCCTTGGCTTTCCATGTCAGATCAGGAGTTAGTT
TATCCTAACCATCTCGCCTTTAGTTCTCCAGAAGAGCAAGAGACTTACATTTCGTAAATGGCTTGAGGAAAGAG
TTGGCTTTAAGCCCGATTTTAAATTTTCATTTTATCCAGGAAAGTTCTCTAAAGAAAGGCGGAGTATCATACCT
GCTGGAGATACTTCTCAGTTTGTTCCTTCCAAGGACGCTGACATAGCAATCTTGGAAGAACCAGAACACCTTA
ATTGGTACCATCACGGCAGGCGTTGGACTGATAAATTTAACCATGTTGTTGGTGTGGTACATACAAATTACCT
GGAATACATTAAGCGGGAGAAAAATGGCGCTCTGCAAGCATTCTTGTAACACATAAACAACCTGGGTCAT
CCGGGCATACTGCCACAAGGTTCTTCGACTTTCTGCTGCCACTCAAGATCTTCCTAAGTCTGTTATTTGCAATGT
CCACGGTGTAATCCAAAGTTCTTAAAAATTGGAGAAAAGGTTGATGAGGATAGGAACTTGGGAATATAGC
TTTTTCAAAGGAGCATATTTCTTAGGGAAAATGGTCTGGGCAAAAGGATATAGAGAACTCATAGATTTGCTG
GCTAAGCACAAGCATGACCTTCATGGGTTCAACTTGGTACAGTTTGGAAATGGAGAGGACGCCCACGAGGTT
CAGAGTGCAGCTAAAAAGTTAGAGTTGAATGTGAACCTTCTGAGAGGGAGGGACCATGCAGATGATTCGCTT
CATGGGTACAAAGTTTTTATAAACCCGAGTGTTAGCGATGTGCTCTGTACAGCTACGGCTGAAGCTCTTGCCAT
GGGGAAGTTTGTAGTGTGTGCAGATCATCCATCTAATGATTTCTTCAGGTCTTTCCCAACTGTTTGACTTACA
AATCATCCGAAGATTTTGTGCTAAAGTGAAAGAGGCATTGGAAAACGAACCTCGGCCTCTTACTCCTGAGGA
AAGATACAACCTCTCATGGGAGGCTGCTACTCAGAGATTCTTGGAGTATTCTGATCTCAACAAAGTCTTGAAC
AGCGATAAAGAGCTAGAATCAAAAAATACCGATGGGAAGGCAATCAGGAAGTCAATTTCAACACCTAATCTG
ACAGAAGTTGGTGTGGCGGTCTTGCAATTTGCTCATTATTGTCTTACTGGTAACGAACCTCTCAGACTTTGTAC
CGGAGCGATCCAGGGACTCGTGACTACGACGGACAGCACTGTAAGGACTTACATCTCCAGCCTCCTCAGGTT
GAAAATCCTATCTATACATGGTAAAAGCAGATACATAACGAACTTTTACCTGCATAACTGTCTGTGAGGTAGA
AAAAAGTGTGCTGAAAACATGTTCTTCCTTGGATGCATAAATTACCAATCCCAA

>trans_s_308 BT003044|Arabidopsis thaliana At3g17860/MEB5_8 gene, complete cds

>trans_s_309 XM_002307655|Populus trichocarpa mtn21-like protein (N21L12), mRNA

>trans_s_310 AJ488194|Nicotiana tabacum mRNA for protein kinase Ck2 regulatory subunit 2 (ck2beta2 gene)

AGAGAAATTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAAGAAGAAGCGGAAGCAAAGTGT
CTCTTCCACTTCTTCAAACCTAGACCTCTCCTCCTTCGATTCTTCTTCCATCAAACCCACTGTTTTCTTCCCC
TTTCTCCTCCATTTTTCTTCCACCTCCGTTTCTCCTCTTGCTGTTCTCTCCTCCTAATGACTTCTCTCATTTCTTC
TCTAAACAAAAACCCTAATCTCCCTTTCTTCTTAGCTCCCCAATCCCCGAGTTCTGCTTTTTTTCTTTTGGAGGG
GGTGGGGGGTCCCTCCATCACTTGTTTCAATTTGAATTTACAAGCTCTGATTTCTTCTAAGATATGTATAGGG
ATCGAGGAGGAGGAGGAGGGGGGGGATTGGTGGTCTTCCAAATCGGAGATCGTTGGTGTACCTTGGATC
GAAAGCGTATCAACGATGCTCTCGATAAACATCTTGAGAAGACTTCTCCCTCTACTTCAAGAGGTCTTCATAGT
AAGGAGAAGGAGAGGCTCTCTGTGCCCTCCACTTCCACTGGTAAACCTCAGCTTGATCATCGTTCTGCCTCTTT
ATCCAAGAATAAATGCTCCGATGAGGAATCTGAAACAGACAGCGAAGAATCAGATGTCAGTGGTTCAGACGG
AGATGATACATCATGGATTCGTGGTTTTGCAATTTGAGGGGAAATGAATTTTTTTGTGAAGTTGACGATGAG
TACATACAAGATGATTCAATCTTTGTGGCTTGAGCAGTCAAGTTCGTAATGACTATGCACTTGATCTTATC
TTGGATGTTGAATCTTCTCATGGTGACATGTTCACTGAAGAACAGAATGAACTAGTTGAGTCGGCTGCTGAGA
TGCTGTATGGTTTAATTCATGTCAGATACATACTAACTGGCAAAGGAATATCTGCAATGCTGGAGAAGTATAA
AAACTACGACTTTGGAAGGTGCCAAGAGTGTACTGCTGTGGACAACCATGCCTTCCAGTAGGGCAGTCAGA
TATTCCTCGTTCAAGCACTGTGAAGATATATTGCCCAAATGTGAAGACATATATTACCCTCGTTCAAAGTATC
AAGGCAATATTGATGGAGCTTATTTGGAACACATTCCACACTTGTTTTGATGACATACGGACACCTGAAG
CCACAAAAAGCCACACAAGGCTATGTTCCAGAGTTTTTGGCTTCAAGCTTCACAAAAAGCATGATTGAGTTA
GAAAGCTGCACTTGGGTCGAGAGATCTCCGGTATTCATCCATTTCAAATGTGCTGCCTGGTGCAGTACTTCT
AATACCCTCTGCGACGTGGCTGATGGATGCATGCACTCATGGTTCTAACTATCAAAGGTAAAATTACAGCCAG
GTGTTCAAAAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_311 XM_002877927|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAGTTTAATCATTTTGTGGATATTTTGAGAAGACTGGTGGTCGCGAACCCGAAGCGATTCCGATACCGACACC
GTATGCAGAAATCTTCGTAGTTCTGGGGATTCTCAATTCGTTTCGAGCTTCTTAGGGCATTGATTTTCGGATTTCT
ATCTTCCTCTTTGTGTTGTGAATCGGTTGAGTTTTCTCAAATTCGATTACGTTCAAAAAATAAGCTCTGAATTT
GAGTTGTTCTCGTGGGAGATCGGTCCAGAATCGAGATGACTCCTGTTTGTCTTTTGTGAAATCTGCCCCGCC
GATGACGCTTCTTCACGAAGCACCAAGGGGAATCTGCTTGTCTTTTCGCGAAATCCGGACGTTCTGATGATG
CTTCTTCAAGAAAACCGCAATCCGAGTCTGCTTGTCCGTTTTCGAAATCCGTTTCGTTCCGGATGATGCTTCTTCAT
TGGAGAAGAATCAGGCTGAGGGGGAGAGTAATGGAGCGGAAAAAGATGTTGGTGTGCTGCTGGAGCCGG
TGGCAAGTGTCCATTCGGATATGATTCTCAAACATTCAAGATTGGCCCTCTGAGTTGTATGATTTGTGAGGCAC
TTCTTTTTGAATGCAGCAGATGTGTCCCCTGTTCTCACATTTCTGCAAAGCTTGTATTTGCGTTTTTAACGACT
GTCCCCTGTGTGGAGCTGACATTGAGAAGGTTGAAGCAGACGACAATCTCCAAGCTACGGTCGATCGCTTCAT
TGAAGGTCATGCCAGAATCAAGCGACCCCAGGTGAACTCAGACAAGGAGCAGGAGAAAAGTTAATGAAAGTA
AAGTAGTGATTTATGAAGACGTGTCCATGGAGAGAGGTGCTTTCTTGATCCAACAAGCCATGAGGGCATTTCG
GGCTCAGAATATTGAAAGTGCCAAGTCCAGGCTCACTGTCTGTGTTGAAGACATTCGAGATCAATTAGAAAAA
ATGGGCAGTTCACCCGAATTGTGCTCCAGCTTGGAGCAGTTCTAGGCACACTTGGTGATTGTTGTGCGAGCAG
CTGGAGATGCTGCTTCTGCAATCAAGCACTTTGAAGAAAGTGTAAGATTTCTCTCAAACTGCCTGAAAAGAC
TCACGAGATCACTCATACACTTTCTGTATCACTAAATAAAATTGGCGATCTAAAGTACTATGAAGGAGACCTTG
AAGCTGCAAGATCTTATTATCTCCGGTCTCTTAACGTTTCGACAAGATGCGAGCAAGCATCATCCAGATGATCCA
GCTCAGATTCTAGATGTGGCTGTTTCGCTTGCAAAGGTGGCCGATGTAGACAGTGGTCTAGGAAATGAGGAT
ATGGCAGTTGATAGATTTCAAGGAAGGCATTAAGTTGTTGGAATCATTATCACTGAATTCTGAGAATCCAGCTCT
TTCACACCGAGGTGAATCTGTTTTGAAGTTCCTTGAAGTCAACTTGC

>trans_s_312 AF033562|Canavalia lineata ornithine carbamoyltransferase (OCTase) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

>trans_s_313 BT009657|Arabidopsis thaliana At4g12590 mRNA, complete cds

>trans s 314 AJ007588|Arabidopsis thaliana mRNA for monooxygenase 2

ACAAAAATGTAATTATTGCAAGAGGCAGCCTACAGTCTCCAATCATTTCTTTCTCCCTCTCTTAACATTTTTTTTT
TCTCTCTATAAATCCAAACAGAGCAACTTCTAATCCCAATCATTTCTTGAATCATCCACACAATTGAATTGTTTA
CTCTGCCGGAATCATGGAAGAAAAAGGTGATGTTGAAGAGATAGTGATCGTCGGAGCTGGAATCTCAGGTCT
CGCCACTGCCTTGGGGCTTCACAGGTTAGGGATTGGAAGCTTAGTATTGGAACTTCCGATTCTTTGAGAGCC
GCTGGTTATGCTTTGACTACATGGAATAACGCTTGAAGGCTCTCGATGCCTTGGGAGTCGCCGATTCTCTCC
GCCTCCGCCACGATCGCTCGCCGAAACGTCACTTTCTCGGCGGTTTCCGGGAAGCCAATTCTGAATTTGCTC
TTTACGGGTCACCGGTGAGTTATTTATTTATTGGATCGAGAAGAAATAATTTTTTCAAATAGAAAGAATGTTA
TAGTTACAAATAGAGTGATTCAAATAATTAATATATATCGATATTTTAAAAATTTACGGATATAGCAAAAT
TATCAAATCTATAGATGGTATCTGAGAGTGATAGACTTTACTATATTTACAATTTTTAGAAAATGTTTATATAA
TTGATAATTATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAA
AAACTAAAAAAACCCCCCAACCCAAGGGGGGCCCGACCCAATCCCCCAAAAAGAAGCCAAAAAACCC
CCCCCCCCGGCCCCCTTTTAAAAACCCCCGAACGGGAAAAACCCGGGCTTTCCCAACTAAACCCCTTGAAC
CAAACCCCCCTTCCCCCCCCGGGAAAAAAACAAAAACCCCCCCCCCAACCCCCCCCCCAAAATTTCCCCACC
CAAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCCCCCAAAAACCCCGCGGGGGGGGGGTAAACCCCCACCGG
AACCCCAACCCCTTCCACCCCCCAACCCCCCCCCCTTCTTTTCTCCCTCCCTTCCCCCCCCCTTCCCCGGTT
TCCCCCCCCAAACCCAAAACCGGGGCCCTTTAGGGTCCCAATTAAGGGCTTACCCCCCCCCCCCCCAAA
AACTTAATAAGGGGAAGGGTCCCCGAAGGGGCCACCCCCCAAAAAACGGTTTTCCCCCTTTAACTTTGA
ACCCCACTTCTTAAAAAGGGAACCTTGTCCCAAACGAAAAACCCACCCCAATCCCGGCCAATCCTTTT
AATTA AAAAGGAATTTCCCGATTTCGGCCAATTGGTAAAA

>trans_s_315 FN552254|Citrus clementina mRNA for aconitate hydratase 1 (aco1 gene)

TTCCCTTGAAAGAGATGAAAGCTGATTGGCATGCATGCCTTGACAACAGAGTTGGATTCAAGGGTTTTGCCAT
ACCAAAGGAAGCTCAAGTAAAGGTTGCAGAGTTCAATTTTACGGATCCCCAGCTCAGCTTAGGCATGGGGA
TGTTGTAATTGCAGCTATCACTAGCTGCACAAATACCTCAAACCAAGCGTTATGCTTGGAGCTGCTTTGGTGG
CTAAAAGGCTTGTGAGCTTGGGCTAGAGGTTAAGCCCTGGATTAAGACGAGTCTTGCTCCAGGCTCTGGGG
TGGTGACGAAATATTTGGCGAAGAGTGGCTTGCAAAGTATCTTAATCAGCTAGGATTCAATATAGTTGGTTA
CGGATGTACTACTTGCATTGGCAATTCGGAGATATTGATGAATCCGTTGCTTCAGCAATAACCGAAAATGAC
ATAGTTGCTGCAGCCGTAAGTGTCTGGAAATAGAAATTTTGAAGGTCGTGTACACCCTTGACGAGGGCCAACT
ACCTTGCTTCTCCTCTTGTGTTGCTTATGCTCTTGCTGGCACAGTGGATATCGATTTGAAAGTGAGCCTA
TTGGGGTGGGAAAGGATGGAAAGAAAGTATTCTTTAGGGACATTTGGCCAACTAGCGAAGAAGTTGCAGAA
GTTGTAAACTCAATGTGTTGCCTGACATGTTTCGTGCCACATACCAAGCGATCACGGAAGGAAATGCAACTT
GGAATCTTTTATCGGTTCTGAAGGAACACTTACTCTGGGACCCAACATCGACGTACATTCACGAGCCTCCG
TATTTCAAAGATATGAGCATGTCTCCTCCAGGGCCTCATGGGGTCAAAAACGCATACTGCTTGCTCAATTTTG
TGATAGTATTACAACTGATCACATCTCACCTGCTGGTAGCATCCATAAAGATAGTCCTGCTGCCAAGTACCTTC
TCGAACGTGGGGTTAATAGAAGAGATTTCAACTCTTACGGAAGTCGCCGTGGTAATGATGAGATTATGGCAC
GTGGCACTTTCCGCAACATTCGCATAGTCAATAAACTATTGAAGGGGGAAGTTGGACCCAAGACGATTACAT
CCCCAGTGGGGAGAACTTTTCAATTTGATGCTGCAATGAGATACAAGAGCGAGGGGCAAGATACAATCAT
TCTCGCTGGTGGCGAGTATGGAAGCGGAAGTTCTCGTGATTGGGCTGCCAAGGGGCAATGCTTCTGGGTGT
TAAAGCGGTTATAGCAAAGAGCTTTGAACGTATACACCGCAGCAACTTGGTCGGTATGGGTATCATTCCTCTA
TGTTTCAAGGCTGGGGAGGATGCCGATTCTCTGGGATTGACTGGGCACGAACGATTACCATCGATCTTCCAA
GCAATGTGGGTGAAATCAGACCTGGTCAGGATGTGGCTGTGGTGACAGACACC

>trans_s_316 AY072802|Cucurbita maxima calmodulin-like-domain protein kinase CPK2 mRNA,
complete cds

TGAAGCCAGAAAATTTCTTGTTGGTTAACAAGGATGATGACTTCTCTCTTAAAGCTATTGATTTTGGCCTCTCT
GTTTTCTTCAAACCAGGTCAAATCTTCACTGATGTTGTTGGAAGTCCTTACTATGTTGCTCCAGAAGTACTTCTC
AAGCACTATGGACCGGCAGCGGACGTGTGGACTGCAGGGGTTATATTGTATATATTGCTAAGTGGTGTGCCA
CCATTTTGGGCAGAACTCAACAAGGAATATTTGATGCGGTGCTTAAGGGACATATCGACTTCGACTCAGACC
CTTGGCCCCCTAATATCTGACAGTGCAAAGGATCTAATAAGAAAGATGCTATGTTCCCGACCATCAGATCGTTTG
ACTGCACATGAAGTATTATGCCACCCTTGGATTGCGAAAATGGAGTTGCTCCTGATAGGGCTCTTGATCCAG
CTGTACTTTCTCGACTCAAACAATTCTCTGCAATGAACAAGTTAAAGAAGATGGCACTACGAGTGATTGCTGA
AAGCCTTTCTGAAGAGGAGATTGCTGGCCTAAGAGAAATGTTTACAGCTATGGATACTGATAATAGTGGTGCA
ATTACTTTTGATGAGCTCAAAGCTGGTTTGAGAAGATATGGTTGACCTTGAAAGATATCGAAATACGTGACC
TGATGGATGCGGCTGATATTGACAATAGTGAACAATTGATTATGGAGAATTTATTGCGGCAACCATTCATCT
CAACAACTAGAGCGTGAAGAACATCTTGTTGCAGCTTCCGATACTTTGACAAGGATGGAAGTGGTTATATC
ACAGTTGATGAACTGCAGCAAGCTTGCGCTGAACATAATATGACCGACGTATACCTCGAGGACATAATCAGA
GAAGTCGATCAAGATAATGATGGAAGGATCGATTACGGTGAGTTCGTTGCCATGATGCAGAAAGGCAATGCA
GGAATTGGAAGACGAACTATGAGAAATAGTTTGAATTTGAGCATGAGAGACGGACCCGGTGCTCTTTAGCTT
CCGAAGTCATGCTTGTACAGTTGTACAGCGGATATAGAGCTGGGGAATTGACACTTTCCTAACACGATTGA
GCTCCTCTTCTCTAGTTTCTAGGACTGTTTGCGAGGATTTCTATGGTGAAAACCTCAGCTCGAGCATCTCTTTA
ATATTTCTTCTTATTGCTGTATAGCCAAATGATGATGTGGTTAGAAATGAACTTTCAGTGTGTGAAAGTGCAA
GAGCTGTTTGAGTTGCTAGGTTCTTTGCATAACGTTTTTCTATTGGGGATTATATTATCTGTTTGTATAGATAC
TATCTTCTACCTCTGGCTCAGATTTCAATCCAATATTGTAACTTTTCTCTCCATTGCTAATTCTATCAAGTTGCACT
TGTTCCACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_317 BT025975|Arabidopsis thaliana At2g18245 mRNA, complete cds

AACGCAGCTTTCGGGAAAGAAAAATCTCTCTCCGACTCAGGCCATAGTTCAGAAGCTGGCTTTGGTTTTGGC
CGGAAATTTTGAGAAGCAATACCTAATCTTCTCAAACCTCATCGCCGGAAGTCCACCATGGAGGCTCCAGTT
AGGGCATTTCGCCCCTGCGTTCTTAATCGCGGCTTCTTCTCAAAAACAATTCCTCAATCTCGCCTCGTTTCATT
CCTGAATCTAATCGGAGCGCGATTTTCGGCAATCTTCAACCTATTTCCACTTTTCTCCTTCTCGCAAGTACTTC
GGTTCCAAAATTTCACTCTCACTTAATCTTCTCACTGCTCCTCCTCGTCTTTGGATCTTCCGCATCTTCTCTGG
TTCCATCCCTTCTAATTTTCTTCTTTACCCTCATTACAATCTTTCGGCTCTCAACTTGATCTGATTACTTAA
GTTCAATTTCTATCCGAGTCAAACGGCAGTGACTGGACTTGGAATCGAGCTTCAGAGAGTGCAATTGGAAACAA
CGTAGGGATTTTGAGGGCGAAAAGGGGGCGGCGACCGTTGTTTTGTTAGGTTGGCTTGGGGCAAAGACTA
AGCATCTGAGGAGGTATGTGGAGTGGTACAATGCGAGGGGTATCAACGCTTTGACGTTTATTGTAGATCCGA
GAGAGTTTCTTTGGTTGCTTTGAGTCGGAAAGTTGAGCAGCGGATTTGCGATTTGGCGGTTGAACTAATTTT
CTGGTTGTGCGAAGGGGAAGAGAGTGATAAAGATCGATCCCTGATTTTTCATACTTTTAGCAACACGGGCTGG
TTTATATACGGAGCGATTCTTGAAATTTTACAGGGGGCGGAAAGATTTGTTAGAGAAGATTAAAGGGTGCATCG
TTGATTCTGGAGGAGGCGATCCGTTGAATCCGAGGTTTGGGCAGCTGGATTTTCTGCAGCCATCCTCAAGAA
AAATAGTTCTTCTGCATCTCCAATGGTAAATGGAGAGGAAATAGACAAGAAACCTCTTCTCTTGAAACCATTT
TCCTATCATCATTAGAGAAGTTCTTCTCGGTTGCATTGAAGTTGCCAGATGTTGATAAGAGATTGAACAACATT
GTTTCAGTTCTTACAGAGAATCAACCTTCATATCCTGAGCTTTACCTGTACAGTTCAGGAGATAAAGTTGTACC
TTACAAGTCAATCGAGTTACTTATCGAAGAGAGGATGAAGACAGGAAGGAAGATTTTTTCGTACAACCTTCGGC
ATGTCGCCGCATGTTGACCATTACAGGACGTACCCTGATATATACTCATCACAGCTTCACAAATCTTGATAGA
ATCTTTTTCTTCATAGGCTGTTTGAGATATGGATTTAGAAGGAAGTGAATAATTTTCATTACAGCAATAATTGG
ATTGGCTAAAAAATTCATATGCAGAGATATTATACAT

>trans_s_318 FJ604859|Vitis vinifera strain SK01 shikimate kinase mRNA, complete cds

CTCTTTGTCCCATTCATATCTCCTGCTTCGCTTTTGCTTCTGATTCCATTTATTTCTCTTCCCTTTCCCCGTCCTTC
CTATGTTCTTCTTCTTCATCTTGTTCCGCTTCTCCTTCTCTTTCTGCTGTGCTACCTGACATGATTTGATTCCAT
TTGAGAATTCGCCGCGTCCGATTCTTTCCACTCCGGTAATAATTCCATATTTCTACAGCTGCCGATCGTTGACCG
CGACACCTGTTCTTCTGGTCGTTTGTGGGTATCTCTGTCTTTAAAGGTTAATAATCCAGGTAGCTGAGGGACAG
AGGTGGTTTGGTAGGGACTATGGAGGCAAACCTTTGGACATTTGCAGCATTTATCAATCCGGATTGATTTCCGA
ACGGTTGTGAGGAAACCGAGTGGTTCGGTTCGATTTCTCAGCCAATTTCTGATCGGCAGAAGCTTCCAGGGC
TTGTTTCGGCTTTTCAGCAACCTCTGAGGCTTTTGAATCGATGCAGGACGGTCTCTGTGGAGACTTCCTGTTAT
CGTGAGAATATTTCAGAACAGTCACAAGAGGTCCGGCCCCCTTCTAAATGGACGATGCGTATATTTAGTTGGA
ATGATGGGCTCTGGAAAGACAACCATAGGCAAGATTCTAGCGAGAGAATTGGGTACACATTCTCTGACAGC
GATACATTGGTGGAGCAAGATGTTAGTGGAACATCAGTGGCTGACATTTTCAAGCTTCATGGCGAGGTTTTTT
TCAGGGATAAGGAGACTGAGGTATTGAAAAAACTATCATTGATACACGGGTTTGTTATCTCCACTGGTGGAG
GTATTGTTGTTTCGGCTATTAATACTGGAAATATATGCGTAATGGGATTAGCATCTGGCTAGATGTGCCGCTGGA
AGCCTTGGCAAAGAGAATTGCTGCAGTAGGTACTGATTCTCGCCCCCTTGCACCACGAGTCAGGCAATGCC
TACATGAAGGCTTTCAGACGATTGTCTGGTCTTCTTGAGGAAAGGGGTGATGCATATGCCAACGCCAGTGCCA
AAGTTTGTTTAGGAAGTCTTGCTGACAAGCTAGGGTGTGAGATGTTTGTAATCTTACACCTGCAGATATTGCT
ATAGAGGCGCTTACAAATTCGGCACTTCTAGAACAGAAGGATGATTATGCTACAACCTAACGTGGAATTCA
TTGCTTCTGAGCTCATTGTATAATCATGGGATGGTAAGTGCTCCTTCGATGCGGTCCATTTGAAATGTTAATGC
GTTGTGTAGTATGAAAATTTGAGGTGAATGAAATTTGTGTCTATATAAATATATAGTTGCAAAGACATACCAA
ATAAATATGTAACTATTGGAGTTGTAACCTATAATTTACGTGTTGTTGTTGATTACAATTTTATTTTCGTACG
ATGGTCCATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_319 AY650029|Lycopersicon esculentum cultivar TA496 succinyl-CoA ligase alpha 2
subunit mRNA, complete cds

AGGCGAGTGAGAAGGAAAGAAAATATAATTCCGAGTGTGATACTCTGAAGAAGGCGGCTGCGCCGAAAATC
GAACCAAATCGGAGCCAAACGATGGGTGCTCAAGCTGTTGCCAAGCTCATAGGGTCGGCCATTAATCGCAAA
ACTTCTTCTCTTCATCATCATCTTCTGTGTTTTCGCGTGCGGCGTCGCAGATTCGGCATTACTCCGCTTCTCCGT
CACCTCCACCGGCAGTTTTTTGTTGATAAGAACAACCTCGCGTTATATGTCAAGGGATCACTGGTAAAAACGGTAC
ATTTACACAGAGCAGGCCATCGAATACGGCACCAAAATGGTTGGTGGTGTAAACGCCAAAGAAGGGTGGAA
AGAACTTGGGGCTTCTGTTTTTAACCTAGTTGCTGAAGCCAAGGCTGAAACGAAGGCCAATGCATCAGTT
ATTTATGCTCCCCGCCATTTGCTGCAGCAGCTATCTTGGAGGCAATGGAAGCTGAATTAGATCTTGTTGTTTG
TATAACGGAAGGGATCCACAACATGATATGGTGCAGTGAAGGCTGCTTTAAACAAACAATCTAAACTAGA
TTGATTGGCCCTAATTGCCCTGGCATTATCAAGCCTGGAGAATGTAAATCGGAATTATGCCTGGATACATCCA
CAAACCTGGCCGATTGGCATAGTATCACGATCTGGTACCTTGACCTATGAAGCTGTTTTCAAACGACTGCTG
TTGGCCTTGGACAATCCACATGCGTAGGTATTGGAGGGGATCCCCTAATGGGACAACTTTGTTGATTGTAT
CGAGAAGTTCCTTGCTGATCCTCAGACAGAAAGTATTGTTCTAATCGGAGAAATAGGTGTAAGTCTGAAGAG
GATGCTGCCGCTTTGATAAAGGAAAGTGGGACTGATAAGCCTATTGTTGGATTCAATTGCTGGCCTAACTGCTC
CTCCAGGCCGTCGCATGGGTATGCTGGCGCCATCGTCTCAGGTGGAAAAGGAACAGCCCAACACAAAATCA
ACACACTACGAGAAGCTGGAGTAACGGTGGTCGAGTCACCTGCAAAAATTGCCGTGTCAATGCTTGAAGTTTT
CAAACAGAGAGGCCTCGTTAGTTAGATTGAAAATCTCAGATTTCTGAGTTCCACCAGTTCCATTTTAC
ACACAATTTGGAGTTCCTGCTTCCACCTAAAATGGTGTAATTTTCAATAAGGTACCCAACTTTTTGTTGTAA
GATATTTTTTGAAGCATTCAATGTTTTGAGTTCGGAGCCTCCGACTGTTGGAGATTCATTTTAAACTCACTTA
GAGAGATACTTTGTGTTTGATTCATTTTCGGTTTCTATATTAAGTAATTATAATACTGCTGACTTCTGTGCCTCC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_320 AC069326|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T24G5 From Chromosome V, complete sequence

ATTCGCCAACTCACCGCTGACAATTGATAGTTTGATGAAATAAAGCTATCCGGACTCCCTATGGTCAAAATTCT
GATACAGTTATTTTTCCCTTGCCTTTTCTTCCCATCAAAACAGCTGAGATTTATGAAGCCTGAGGGCCAGCCTA
CTGCCTAAACCTGAAGACCAGATGAACCAGAGTTTGACATATTCATTGCCACCTTGATGCTACCTTTAGAAGA
ACCATGCCTGAAGATCCTGTTGACTCTTAATTTTAACTTGTCACATACCAAGATGACCATGCACAAACTCTTGA
GCTCCTTAAGAACCTACTAGCTGAAATGCCTTGGCTTTTTTTCTTGTTTTCTGCTCAAAGATTGAAGTATGA
AACCATGTTGACTTCCGCATTGGACACTTGTGGAGTTTCGTTTTGTGTGCTTACTGCTATAAGATTTGATTAGA
GTTTGTGATGTCCTTGAAACTCTGCTTGTGTTTTTCCCTTTTATACCCTTGAGTGCACCTCTTTCTGCATCA
TCTCCTAAATTGTGCAGGGTTTGAATGTCAAGTTCTACTCTTGCACCCAATAGTCATTCGTTTTTTGGCGAT
ATAAACGCCCTACTTCAGACTTCCTAATTTCTATAAAAGAAAAAGATTCATCGAGTCTTATTAGAAGCTGTCTT
TCTTGTCAATACTTTGGGATGGTGCCTACAGGTGCCTTTGGATTAGTGGGTGTGTGGCCTTTGAATTACTGG
GTTATCCAAAAGGAAATATAAAACCTGATAGTTGTTTAAAGATTATGGTATAACCAGCCAAAAAAGAGAAGG
AAAGGACGTCCATTTTGTCTTCAATTCTCAAGCTCTATACCTATTAAACACACCGAAATCAGAAATAATACGT
GCTCAATGAAGCATGCTGTTTTATTTATCCATTACGTGTAGAGGCAATATTACCATACTTGACAAGGCCAAAGG
TAAGGTTTCGTTTTGAAAATGCACTGCTTGTCTATTGTTTATGTTGTTGGTCAGTCTAGTGTGTATTTTATAGG
AATCGTCTACAATGCCTTTCAATATCTTTTGTGTTTCTTAGCATGGTTTACAGCATTTTATCTTCAAAGGACTTT
TTCTGATTAACATAGCTGCGAGGTCAAGCCGAAACATGCATGCCAAGTTATTGGTACTGTGTGCGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACCTTCTCCATGCAAGGATTTAACTTAATCTGATCCTGGACATGGTCTATGCTATAAGC
CTCTAGTTCTTGCTTGGGAAGTTGATAGTTGGAAGTATTACGATAATCGTGGCAGATTCGTGGTATAATTAGTA
TTAGCTGTTGCTGAATGCAAGGGAGTTTTACAACCTCATATGGACCTTGAAGGGTTTATTGGCTTCTAGGAAT
TGAAGGTTAGATTAATGTACTT

>trans_s_321 XM_002882978|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing protein, mRNA

CAAATCAAGCGAGGACTCATTTGGGGATTTCCAGAATGCTCCTAATCCAAGCACTACAACATTTCTTCAAGCA
GATCAAAACACAAATGGAGTTGATTTCAAGGGATCAAGTTTTAATTCTGGCATAAACATGGGTGATTTTGAAT
GCCTACAATGGATTTTCATTCCAAGGTTCAAGATACTGTTACAGACCACAGCCAGTGATCCACTTGATATGTTGT
TTAGCTCATCCAAAGCCCCAGCTGAAGGGCCTTCTTGGCATCTGACACACCTGGAGCATCGCAATCATTGGA
TGCCGATGATTGGGGATTGGATTCGGACTTTGGGGGAGGTGGCCATGACGTGGGTGGTTCAACAACTGAGAT
TGAAGGACTTCCACCACCTCCTGCGGGGGTGACAGCTTCTTACGAAAGAACAAAGGGAGTGCATGTCTACAG
GCAGGGGCAATGCGCCGATGCTATTAAGTGGCTTTCTTGGGCTGTCATTCTTTTGAAGAACTGGTAACAAT
GCTGCCATAGTTGAAGTTTTGTCGACACGAGCTTCGTGCTACAAAGAAAGTTGGGGAATATAAGAAAGCTGTA
GTTGATTGTGCAAAGGTATTGGATCAGGACGATGCAAATGTGACTGTTCTCGTTCAGCGTGCATTTCTATATG
AAAGTATGGAGAAATACAACTTGGAGCCGAAGACCTGAGGGCTGTCCTGAAGGTCGATCCAGGTAACAGA
GTTGCGAGAAGCACAATTCACCGTTGACTAAGATGGCAGGGTAAAGTTCTTATCACAATTTTGGCTGATGA
AGTTTCTGAATATAGAATCACACTGGTTCCTCTCATGCTATCTAAATTTGGTGGTGAATGACTCCATTTTTCG
ATTACATGGTTTGGTTTTGTATGTGTGCCCCCGTCCCTTGTGATGCTTTTAAATACATTACGTACTTGTATTGT
TTATGACACAAAAGAAAAAATCTGTGCTCTAGTTGATTGTTCTGTACGATGGCCATGAAATTCAATATATTCA
ATTGCTTTTCGTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAACTTTTC
AAACCCCCCAACCCCGAGGGGGGCCCCGACCCCATTTCCCTCTAAAGGGGTGCAATTACCCCCCCCCCGG
GCCCCCTTTTAAACCCCGGGACGGGAAAAACCCGGGGGTTCCTCAATTAACCCCTTGAACAAAACCCCC

TTTCCCCCGTGGGGGAAAAAACAAAAGGCCCCCCCAATCCCCCTCCCCAAAATTTCCCCACCCTAAAGGGA
AAAGGGAACCCCCCTGAACCGGCCCTTAACCCCGGGGGGGGGGGG

>trans_s_322 GU732461|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D37)
mRNA, complete cds

GATCTCTCAACTCTCATTTCCGGAGAGAGAGATAAAACCGACCCTTTGAGGTTGAAGAAGAAGGAGAAGGAA
GAACCAGAGACAAAATGGCGATCCATAATTGACCCTCCCATTTCTATACGATGCGATTTTTTCCCTCTTTCATCC
ATGCGGCGAGGCAGACCCTCAGATCCATTTACAGCTACAGAAATTCCAATTCAACCATTAGCCGGAAAATC
CTCTCAAAGAGATTGTTACAGAGGCGTTCGTAAGCGCCCTTGGGGTAGGTACGCTGCTGAAATCAGAGATCC
TTGGAAGAAAACCTAGGGTTTGGCTTGGTACCTTTGATTCCGCTGAAGAGGCTGCTCGGGCTTATGATAATGCC
GCTCGAACCCCTTCGGGGTGCCAAGGCCAAAACCTTTCTTTACATCCATCCACGATTTCCATTCAACAACA
AATTCCTTTTTACCAATCTCCCCCTGATTTGCACGATTCGAATGGTTTTGGTGCTAAGATCGAGTGCGTTCAAG
CCAATAGGCCTACATCTAGCAGTTTGAGTTCTACCGTGAATCGTTTAGTGACCGCGGATTTCTAACCCCTTG
TCGTCCCTGTCTATGGTTCGTGCGAGGCCGTTTCAGCCAGTTTCGCCAGATGATTGTCATAGCGACTGTGATTC
GTCTTCCTCGGTTGTTGATGATGATGAGGTCTGTGTTCTTGCTTCTTCCGTAGAGCTTGGCCCTTGATCTTAA
CTTACCACCTCCGATGGACGTCGTGGATTTAACCGGTGATGATCTTCAAGCTACTGCTTTATGCCTCTGATGAG
TGATGATACCATGTTTGCTTTATATCATCATGGTTTGAAATGGTCCTTTTTTCCACATTTCTTCTGTTTTTCTAT
CTTATTTTCTCGGGAAAAACACTAAACTGAAGAATTTTGAATATGGTGGTAAGTTGAAGAGAAATTCGATCG
GCCTCCTCCACTCTTCTTTTTTACTTTGTTGGTCTTCTAGAACTGGGTTTCCCTTCGACGGCCATGGTGCTAT
AAAATGTTGTCTGTATCATTGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCTCCCCCCCCCAAA
AAAAATTTACCACCCCCCCCCCCCCCGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCCCAATGAGGGAAAATTACCCCC
CCCCCACGCCCCCTTTTTAAAAACACCGAGAAGAGAAAACCCCGGTTTCACCCCACTTAAAGCCTTTGAGAA
ACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGATAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_323 XM_002876924|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata methyltransferase/ nucleic acid
binding protein, mRNA

AGGTTTGCGCGCAACGACAGTACCAAAATCCCACTGTTGCTAGTCCACAGGTTCTTCGTCATAGCCATTGTCC
TCTTCTTCTCCGAATCAGTTCGTGAGTTTTTGAAGAAGTAATAGGAGCAAATATCAGAGTTGAGTAAATGTGG
TATCTCTGTGTGTTCTATCACCGTCTTTTGGATTACCGGAAGACCGAGGTCGAGTCTCTGGCCGAGTTGTTTGG
TGAAAATGGCGACCACAAAGGGAAGAAGTTGGAGTGGAAGCTTCTCTTCACCATCACCCCGATTCTCCTTTC
CATTTGCTGACCTCTCTTCAGACGATATCGCTCGGAGCATTGCTAATCGAAGTATACTAGTGAAGGGGATGT
ATGAACTCTGGGGTCAAGGAAGTGACTACGAGGAGCTAGAGGAGTCTATTAGAAATTTTCCGGAAGAACGG
AAGTTCCCACTTACAACCCGGAAGCTCTTCAAGATTTCTGTAGAGAGCTTTGGGAAGGCTATCAGCTTCCA
GGAACAAAATGAACGTATTAGGGGGCTAGCATACATCCCTTCAAGGGTCAAGTTAATTTAAAAAGTCCAGAT
CATAAATTTTGTCTTTTGAAACTGCTGATTATGGACTTAATAATGGACTTCCACCAATTGCTCAAAGGAGAAT
TTTTTTTGGCCGGGAGGTCGGTGGCGCCGATAGGAAGCTTATACCAACATATCAGTTAAAAAGTCGCACTTAT
CTTGGGCCAACTGCCATGGATGCTGAAATGGCTTTCTTAATGGCCAACCAAGCATTAGCAACATCTGGAAGAAC
TTGTCTTTGATCCTTTTGGTGGCACTGGGAGCATTCTTGTGGTGCAGCTATTTTGGAGCAATGACAATGGGG
GCAGACATTGACATTAGGGTGGTACGTGATGGTCTGGCCCTGATTGTAATGTTTGGAGCAACTTCAAGCAGT
ATGGCTTACCACCTCCAATTGCACTGTTAAGAGCAGATAATAATCTTCTCCCTGGCGTCCAGGATTGTAGGAG
ATTTTTGATGCAATCATTTGTGACCCTCCTACGGAGTGCGTGCCGGAGGGCGTAAATCTGGTGGTTCGGAAAT
TATTAAGGAATCGTTGCTCCTTACACTGTTCCAGATGACAAGAGAACAGACCATATACCATCAACTGCATCT

TACAGCCTTGTTGAGTGTGTACATGATTTACTTGACCTTGCTGCCAAGATGCTTGTGATGGGTGGCAGACTTGC
ATTCTTCTACCCTATGTTGAGGGAAGAAGATTGTGTGTTTAACCAATTCCCAGAGCATCCTTGCTTTACATTAAT
CAGTTCGTCTGAGCAGATATTGAGCTCTCGATACAGCCGAGTTTTGCTAACTATGGTGAAAAGAAGTTCATAT
ACTGAAGAAATTGCAGAGGCAGCAAGATTAAAACATGA

>trans_s_324 BT005233|Arabidopsis thaliana At2g45360 mRNA, complete cds

AAAGAAAAAACTATTTTCAGTTTCTCACAACCAAACCCAACTGTGAACTTTCAGAGAAAAAAACACACCCA
ACGGAAAACCCTAAATTACAAATCGTATCCAAAGAGGGGGGGGGGATAGGAATCGTACAGGCGATTTGAGA
AATGAAGCTCGTTTGGTCCCCGTGAGACGGCCTCAAAGCCTACATCGACACCGTTCAATCTTTTTGTGTAAAGT
GTGATCTCCATCAAGAATCCGGCGTTGCCGAAGTATTTAGCGATGGCGGCGGGATGGAACGCGCAATTCA
TCGTGGAGACGTGGTTCGAGCGGCGGAGCGATTGCCACTAGTATAGGTCTAGCGGTGGCTCGCCGTCACGTGC
GAGGGAGACACGTGTGTGTGGTTCCTGATGAGAGATCGAGAGGAGAATATTCGAGAGCGATGGAGAGAGC
AGGATTATCGCCGGAAGTATCGTGGGAGAGCCAGAGGAGGTGATGGAAGGATTAGTAGGTATAGATTTTC
TGGTGGTGGATAGTCAGAGGAGGAATTTAGCCGAGTTTTGAACTCGCTAATCTGAGTTCTAGAGGCGCGG
TTTTGATTTGCAAGAACGCGAACTCGAGAACCGATTTCGAGTTTCAGATGGAAAAGTGTTACCGAGAACGGAA
CGCGGCGGTTGGTCCGATCGGCGTTCTTGCCGGTGGGGAAGGGTTTGGATATAGCGCACGTGGCGGCTGCC
GGAGGTAACCTCGGGATCCGGCGGAGGGAAAGGAAAATGGATCAAGCATGTTGATCGACGGTCAGGCGAGG
AGTTTGTAATTCGGAAGTGAACCCAAAACGATGTCGTTTTTTTTCTTTCTTTCTTTCTATTTTTCCAACCTTTGTG
AATACAGTTTTGTCATAATTTGTGTATAAAACATATCTTTTTGTGTTTTAGGGAATGGGTTGGGGGAATTAAAT
GTACTCATCACTGACAAATTTTATTGTATTATCATATCATTTTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCC
CCCAAAAAATTTTACACCCCCCACCAGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
TATCCCCCCCCCGGGGGGGGTTTTTAAAAACAGGCGGGGGGAAAAAACCTTGTTTACCCCAATTTAACCTG
AAGGGAAAACCCCCCTTTTCCGGCGGGGGAAAAAAAGGGCCGCGGCGATTCCCCCCCCCAAAA
TGCTACCCTTGAAAGGGAAAAAGGGCCCCCCCCCTTCGCTCCCTTAAATCCCGGGGGGGGGGGGG

>trans_s_325 NM_129091|Arabidopsis thaliana ribose-phosphate pyrophosphokinase 1 /
phosphoribosyl diphosphate synthetase 1 (PRSI) (AT2G35390) mRNA, complete cds

TTGTTAATGGCGGACGACCATCGCCATACATACTAATTAAGTCTGCCCTAGCTCCCTGTACCGGTGAACATGGC
TGCTCTCTCATTCTTCCTTCTCCTTCTCCTTCTTACTCCTCCTCCTTCTCACCCGTTCAAATTTCTTCCCCCA
CAACTCTCGCTCCACAACCTTGCAATTTGTTACACCTTCAAGTGTAGTCTGCCTGAATCGAGTAGATTTGGTAATG
GGAAACCTATTGTTCTATTCTTAATGAGCGTAGTTTGCCGGAGTTCTTGAATCGGCTAGAATGGGGAAACC
GCTTGATAGAAGCAATAACCGTTTGAAATTGTTTTCTGGTACTGCGAATCTTGCACTATCTCAGGAAGTTTCTA
GGTATATGGGCTTGGAACCTTCGAAGGTTAACATCAAGCGATTGCTGATGGAGAAATTTATGTCCAGTTGAA
AGAGAGTGTGAGAGGATGTGATGTTTACATAATACAGCCCACTTGCCCTCCTGCCAATGAGAATCTCATGGAG
CTATTTGTTATGATAGATGCATGTCGGAGAGCCTCCGCCAAAACATCACTGCAGTGATCCCATATTTTGGGTA
TGCCAGAGCTGACAGGAAGACTCAAGGCCGTGAATCAATTGCAGCCAACTTGTCGCTAATCTTATAACAGAA
GCAGGTGCCAATCGTGTTCTTGCTTGACCTCCATTCTGGACAGTCGATAGGCTACTTTGATATACCAGTTGA
TCATGTATACTGTGAGCCTGTGATTCTAGATTATCTTGCCAGCAAGACAATTTGTTACAATGATCTGGTTGTGG
TCTCTCCTGATGTTGGTGGTGTGCAAGAGCTCGTGCTTTTGCCAAAAAATTATCCGATGCTCCTTTAGCAATT
GTGGACAAAAGGCGCCAAGCGCACAATGTTGCCGAGGTGATGAACCTTATTGGTGACGTTAAAGGAAAAGTT
GCCGTCATGGTGGATGACATGATTGACACTGCTGGGACTATTTCAAAGGAGCGGCTCTTCTACATCAAGAGG
GTGCTAGGGAAGTCTATGCTTGCTGCACTCATGCTGTATTTAGCCCCCGGCGATTGAGAGGCTATCAAGCGG

CCTGTTTCAAGAGGTGATAGTTACGAATACGATCCCAGCAATCACAGAAACTACTTCCCTCAGTTAACCGTTC
TTTCGGTAGCAAATCTTTTGGGCGAAACCATTTGGCGAGTTCATGACGATTGCTCTGTTATTACTCACCTGCAT
TGAATTATTTATGATTTACTGTGTAATGAGCCATACAAAAATTGTAATATATTTTCAGTTTTCTCCCTATCTATGT
CTTAACAATTTCTTCATATTCTCTCACAAATTTGTATCACATAGGGTAAATGCTATATTATTATGTACCCCTCAG
CTGGTTCAAACATATAACCATCAATAA

>trans_s_326 BT002383|Arabidopsis thaliana expressed protein (At1g07040) mRNA, complete cds

ACTCTCCAAACAAAATCCTTTCAACCTTATTTTTCTTCACTACCCATTTCCAAAAATTTCATTTCCCTCCTCGGAAC
GTCTTCGTCGATGCCGAAACCTGCGGCTGGGAACCGATTGTTCTCGATCATGTCCAGTGCTGAACCTCCCAAT
GGACTGCAGGGATCAAGGGTTAAGGGAGCCGAATCCTTTCTAGGAATGTTTTGGCGAGCATGGAGGCTGTT
TATCTGAGTCGGAATCCCACTGCAAATCAATTTTGGAGCTTGTTGATCTGCTCATGATGATACAAATTTGTTAT
GATCATATTGCATTTAGAACTTTTGGGATGGACGGGCATGGGATTGACTCATTAGCAAGCTTTTTCTGGATTT
TGGATATACTCAAAAAGAGGAATTATCATTCCCAGCAAAAAAGTTGAAAGCATTTTGGTTTTACCTCCCTCCA
TTTCTAATGCTGCTTATGATGGTGATGGAGTCAATGGACCTCTGCCAAGAGTGTTTCATATCACAACTTCTGGTG
GATCAGATGAGTAAACAAACTCAGGACATAATCAGAAAATACACTAAATGTTCTTGCAATGGGAAGAAGCAT
GCTGCTCTGGCAGGTGCTCTGGGTTCTTGACATGGGAAAAGCCTTCGCATTGAGAGTTTGAACAATTAACAA
GGGAGAGCGAATATGCTGCGTGGACTCTTGTAATGGTTATGCACCTAATCATGTGACTATTTGACCCATCG
CCTAAAATCTCATCTGAAAGATATCAAAAGCCTCAATCTGTTCAATTGAAGAGAATGGTTATAAACTAAATTCTG
AAGGTAGTGTTTTAAAAGTAAGCCCGGATGGTCTTCTCCTGCAAAGTTCAACCCTTGAGATTCAATTTCTTTT
GAATTTTCTGATGGCATTACTGCTTCCGTCCCCTGTTTCATACATCGAGTTTGCTGAACGTTTGGTACTGCCTCAG
TATAAGCATCTTCCAGAAACAGAGGTAAAGGAGTATCACAGAAGGGATGGCTTTGAAGTAGGAAATGCTGAT
AAGATCTTTGAAAGTACATCCAAACAGCAGCAAATGGCAAACGCTTGAAACCAAATTGCTACAAAAGGGAAG
GGCATGAGGGCAATGTGGAAGTAGGAATTCAACACCCTTTAAATAATTCCCAATTTGAATTATTGGTGCAAA
TCTTAGACTGTCAATTCTATCTATACTTTGATATATGTATATATAGCTGAAACACTTATTAATATGATATCGAAT
AATCTAACCTTCTCCCTAGCATGTGCACCGAAGTCGTGCGTCGTTTTTTGTACAAGTGGCATCATCAATTAGTC
GTTGATGTGTCAAATTTGAAAATATATGCAATGAATTACTATTGAGGAAGAAATGTTCAAAAGAGAAAAGCAC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_327 L36856|Pisum sativum GTP-binding protein (IAP34) mRNA, complete cds

TCCGACCCACGCCC GCGCACCTCTCCGTGCGAGTCGCCC GCGGCACGCTCCCTCGCCGTAATTCCTTTTCATTT
TTTTCACTTACTTTCCGCTACAGCCTCGCCGGCACACGCGACTACCGCATTCTTCTGTTCTTCGACCGAGGCACG
CACAACCTTCATGGCATCTCAGGTTATCCGTGAGTGGGTTGGAATAAACAACTTTGCAATGGCTACACAAGCAA
AATTACTTGAGTTGATGGGAAAACCTGAAGCAGGAGAACGTCAACACATTGACAATACTTGTAATGGGAAAGG
GTGGCGTTGGAAAGTCATCCACTGTGAATTCCATTATTGGTGAAAGAGTTGTATCTGTTAGTCCTTTTCAGTCA
GAAGTGCCAAGGCCAGTGATGGTTTCTCGCTCACGGGCTGGATTTACATTAACATCATCGATACACCTGGCA
TCATAGAAGGAGGTTATATCAATGAACAGGCACCTTGAGATCATAAACGCTTTCTCTTGAACAAGACCATAGA
TATTCTTCTCTATGTGGACCGCTTGATGCATATAGAGTAGATAACTTAGAAAAGCAAGTTATCAAGGCAATA
ACTGACAGCTTCGGTCAAGCAATATGGAGTAGGGCTTTGATTGTTCTCACTCATGCTCAATTTTCCCCGCCAGA
TGGATTACCATATGATGAATTTGTTTCCAGAAGATCAGAAGCTCTAGTGAAAACAGTCCGATTTGGTGCTCTT
TCAGAAAAGTTGAAATTCAGGGGTTGAATATTCCAGTTGTTTTGGTCGAGAACAGTGGACGGTGCAGCAAGA
ATGAGAAAGATGAAAAGGTTCTTCCAAATGGGATTGGATTCTCACTTGGTTGAGACAATCACCACAGTTGTC
TTGAAGGGAAGCAAGTCCATTTTGTGATAAGACGTTAATCGAAGGGCCAAACCCCAATCAGAGGGGAAAG
TTGCTGATTCCCTTAATCTTTGCACTCCAATATTTCTTCGTCGTTAAACCTATCAAGCGAGCAATAAGAAGGGAT
ATAGCAAGACAAATTAGACCGTCGTGGGAGTTGCGTGATATGAGCTTTTCCACCCGCAAGTATTGATTGATC

TCAAGTTTGGCGAGTTAATAATCTATGCGTCTTATGTTCTGATAGAGATTAGTCGTTGTTTTGTTTTTGT
TTTTTTTTTTTTTTTTGTAGAAGTTGGAATTTTGTAGATAACTGAGTTTCTGTAAAGCAAATTCGTATACTGCCA
CCCTCAGTTCTTTGGGCTACTTATCATTAGTTAGAGGATTATGTTTGTTTCCTTTAATTTTGGGCCTTTCCAATT
CCCATCACTCTTCTTCCCAATCAAACCTCGTATGCAGATGTTAATAATATCGATCATCATAACAAAAAAGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_328 AF234536|Ipomoea batatas senescence-associated protein mRNA, complete cds

TGTGCTCTGTTTTGGTCCTTCAGACAGGTTTCATCCCTTTACTCATTGACCCCATGGCATTAACTGCAATCAAG
GTTTCAAGCAGCCCAGTTGTGACCAGTAAGGCAATTGTATCTAATTCTTATGGAGTTTTTCTTCTTATCCAAG
TCAGAACGTGAAAAATTAATCCATCAAGCTGTAGAGTTGACATTGGGGAGCTCCATGGATGTCTCTTGACAG
CAAAAGTCAAAGTCTCTAGTCGTGGGCAGCGTAACTCTTATGGAAAATCTTGAGAGTTTACCATGTCACGCAG
ACCTGCTGTGTTATGTTTCTCAACTGGGACTGATCGTACAGAACTGAAGAATGTTTATAGGCCTTATGATAGTT
CTGCAGGTTTAAGATGTGCCCAAACCTGGAGATGATGAAGATGACCAGCCAACCTGTTTGTGAAAGAGCCATTA
AATCCAACCCAGGAATAGTTGAAGCCTGTCGATTTGCATACAATGATGCAAAATTTGTAAATGAACGGGCTCG
CAATGACATCGTATTGCTTCTCGCTCGAGCCAGAGAGGATACAGAGACAATTGACCGTAATGTGAAGAAAA
AAGCTGAGCGACTGCGACGTATTGCTGCAACTTTGAGAGAAAAGGCTCGGTCTAGTCTGAAAAGTGCTGCAG
ATGAGCATTGGAGTGCTGGAGCCTTAGAGGCCGATTTGCGCTTGCTGATTTCCGTGCTAAACAGCGGGCAA
TGGAAGATGCCCTGATGGCTTTGGAGTTTGTCAAAAATATTCATGATATGATGGGTGAGAAAGATGTACAACT
TTCCTCAGTCAAATCAATCTGGTTTTCCAATCCCAATGACATGATGGACCGTATAAAGCTAAAAAAATGGG
AAGAGTCTAGATTTCTTAACCACTGAACTATCAACTGATCGCATTTCTGCTATTCAGGAAATCTATTGGAGTAT
GGCCTCTGCCCTCTCTGAAGCTGATGGAATTGATTATACTGATCCAGAAGAGCTTGAGCTGTTGATTAGAAGCT
TTATGGATCTTGATGCAATGGATGGCAAAAGCAGTGTATCACTACTTGCAGAATGTTTCGAGTTCTCCAAATGA
AAATACTAGACAAGCACTGGCCAATGCTCTGGCAGCAGCCCCATCCATGTGGACTCTTGGAATGCAGGCATG
GGAGCATTGCAGAGACTGGCAGAAGATAATAACCCAGCAATTGCTGCAGCAGCGTCCAATGCCATCAAGGAG
CTGAAGAAACAGTGGGAAATAGGAGAAGGAGATAGCTGGAGCTTTACAGTGAATCAAAAAGCTACCATGGA
AGGCAGTGAAGCTGACGATGATGAAGATAATGCAGATCCATTATGATACATCTTTAAGTAAATCTTTACTGT
AGATAAGCTAAATTTAAGTGCATGTTAGAATCATAGAAATTGA

>trans_s_329 AF209572|Cucumis sativus ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

CTGGACATCATGTGTATATCAACCTTCGGACAGAGAAAGTTTACTGCCTTCCCGATGGATATGAGATTAATGA
CCCCTCGTTAGATGATATTCGATACGTCCTGAATCCAAGTTTGCCAAAGAGCAGGTGGAGCAGCTTGACAAG
AACAAGCAGTGGTCTAGGGCACTCGATGGTTCTGATTACCTTCTGGAATGGTGGGCCTTAACAACATTAAAG
AAACTGATTTTGTAATGTAACAATTCAGTCCCTAATGAGAGTTACACCACTCAGGAACCTCTTCTAATACCTG
AGAACTATCAGCACTGCAGATCTCCACTTGTTACCGGTTTGGTGAGCTCACACGTAAGATTGTCATGCAAG
AAACTTCAAAGGACAGGTAAGCCCGCATGAATTCCTGCAAGCCGTTATGAAGGCTAGTAAAAACGTTTTCGA
ATAGGAGCACAGTCGGATCCTGTTGAGTTTATGTCATGGTTTCTTAACACACTTCATTGAGAACTGCGAATTAC
AAAGAAAAGTAGCAGTATAATCTACGAGTGTTCAGGGGGAATTGGAGGTTGTGAAAGAGATTCACTCCAA
AGCTCTCATTGAGAAGAAAGAAAATGGTGATGAGCAGGATGCTGGAACCTCAAGGTAGCAGTGTGGTAATGG
AAACTTCAAGAATGCCATTCTAATGCTTGATTGGATCTACCGCCACCACCTCTTTCAAAGATGTTATGGAG
AAAAACATAATACCACAGGTTCCACTCTTCAACATTTTGAAAAATTTGATGGTGAACTATCACAGAAGTTGT
ACGGCCACATATAGCAAGGATGCGTTACCGGGTACTCGATTGCCTCAGTACTTAATTCTTCATATGCGCCGAT
TTACGAAGAACAACTTTTTGTGGAAAAGAATCCCACATTAGTGAACCTTCTGTCAAGAATCTAGAATTGAAG
GATTACATCCCCTTGCCAACACCTAAAGATAACGATAAATTGCGCTCAAAGTATGATTTGATTGCGAATGTTGT

TCATGATGGCAAACCTAATGAAGGGTGCTACAGGGTATTTGTACAGAGGAAGTCCGAAGAATTATGGTACGA
GATGCATGATCTTCATGTCTCTGAGACACTTCCTCAGATGGTTGCTCTCTCTGAGGCTTATATGCAAATATATG
AACGACAACAATAGATAGGGCGTGTAACCTACCGAATTAGTTTTGTTAATTTCTCCTCTAGACAATATGTACCTG
GACTTGAACAGGACATGAGCATGAGAAGCTTTGAAATCCGCGTTATAAAGGAAGCTTCCTACTACTAATCTCT
TTGTTTGATTTGTAGAATCATTTGTCACATTGCACATAGTTTGCAAACCTGGACGGGGACTATGCTGCTGCGCA
CTGCTTTCTGGTGGAATTTGTTGCCCAAACCTATTTTT

>trans_s_330 NM_001186412 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0241400 (Os03g0241400)
mRNA, complete cds

TAAGAGGCAAATTAGTTTTTCAATTTTCCGCCTCGACGAAAAATCCTTCATTTGTTCCGCGCTAGGGTTTCCAT
CGCTAACACGTTTTCTTCTGTTTTCTCAAATCTCGATCTCTTCTTCTCTTCTTTTTTCTTTCAAATCTCCGCCGCG
AATCCCTTTCCATAGTAGACACACGATGTCTCGTTGCTTTCCTTACCCACCTCCTGGTTACGTGAGGAAGGTGG
CTAGCACCGAGGCGGCCCTTGATCGAATCGATTAAACTCCAATCTGAAAGACAGAGCAAGAACGATAGAAAGA
ATGAGAAACGTAGGCACAAGAAAGAGAAGTCGAAGGACAAGAAAGAGAGAAGTAAGGACAAGAAACACAA
AAGCAAAGAACGTAAAGAACATAAGGAAAAGTCCTCTCATAGCCGGAGCTTGAATGATCAGAAACACAACAA
ATGCCTTAAAGAAGTCAAGGACCTTCTAGATGGAACCAAAGTTGAAGCAGAACAAATTAGAAAGGAGTGGTCT
CACTGAAGAGCATGGACAACCTGTATGGCCTCAAAGCCCTGCCTACTTGTCTGATGGAACCTCAGATTGACCAC
AAGAGAAAAAGGCAAGCTGAAACACAGCCTGATGAAGGTTGTAAGCCTGGTAAATCATCCGAATCAAACCTG
GCTTCGGCCCCCTTCACTTAGCCAGCAAGAGGATTACGCGCTGGCAGCGAACAGATGTGTTCCACATCTGGTC
GTTATAATTCTTTTGATCAAAAGACAGATGGAGACAGTCATGGATCAGTAGCCAATGCTGAAACAGCTGTCGC
TGTTTCATCCCACTTTGTCCAACCCAAAGATCGAACATCCCCCTTTCATCCCATCGGGGACCGTAATTCTAAAA
GTACAGTTGTGTCAGTACCTTCTCGAAAAAGAAGTTCAGCTGAATCTGCTTATGAGGCATTGTTGAGAAGTG
GGTAGCACCACCACTTCTGTTGGAGCAACAACTGATGATGAGGAATGGCTCTTCGGAACCACAAGAAAGCA
AGATGGACGAAGTACCATGGCCAACAACAACAAATGCTTTCAGTACTGTTTCCAGCTGTGGTAGGAGTTCAAAT
CTGTGGCCGAGAGGACAATATCTCGTCGATGCTGATGTTTATTCATTGCCTTATACGATCCCATTTTGATTTTG
GATTCTTACTTTGCAGAGTAATATGTACAGTACGCCAGTGGGAATAATAGTCTTCCTAGGTGTTATAATTGGTT
TTAGAATCAAATATAATTGAGATTCAATTTTGTCTCTGGTGGGTACTTGTTATGCCCTTAAGATGGATTGACT
ATTGAACAAACGACGAACATGTTGGAGAGTTTATGTAAATATGGAGTGCTAAGAGAGATGTTTATGACAAAA
TATAGTAGCTTTTTCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_331 AF113545 | *Nicotiana tabacum* vacuole-associated annexin VCaB42 (Anx3) mRNA,
complete cds

ATTGCTTTTCATGCCCTTCTCGTTGGTTTGTCCGTTTTCAAATTCGCCGCCTCCCGTGTTGGATTGGACTATCCA
AAGATAGTGATACCAAACTTTTCAATCTTTCCATATAATCATTGCGATGTCCAATTGAATCCATCTTTTTCTTCAT
TCAATCGGTCTACGTTTTTGTAAACACACACACAAATGGCCACTCTGTCGGTGCCCGATCAGCTACCTCCGG
TGGCTGAAGATTGCGATCGCCTCCATAATGCCTTTCAGGCTGGGGAACGGATGAGGGGGCGATTATATCCA
TATTGGCTCAGAGAAATGCTAAACAGCGCAGTCTGATTGTCGTAACCTATGCCGAAACGTATGGAGAAGATCT
CTTGAAGTCGCTCGACAAAGAACTCTCAAGTGATTTTGAGAGAGCTGTGCTTTTATGGACATTACATCCTGCTG
AACGTGATGCATTACTAGCCAATGAAGCAATAAGGAACTTAAGCATTTTGTTGTATTGGAAATAGCTTGTAG
TAGAACTCCACGGGATCTATTTTGTAGTAAGGAAGAATACCATGCTCGTTTCAAGCGGTCAATTGAAGAAGAT
GTCGCACAATACACTACAGGTGATTTTCGAGGCTTCTGGTGCCCCTCGTGAATGCTATCGATATGATGGCCC
TGAGGTAAACGCTACCTTAGCCACATCAGAGGCTAGGATACTTCACGAGAAAATTACTGAGAAAGCCTACAAT
GATGAGGAGCTCATCAGGATTATAAGCACTAGGAGCAAGGCACAATAAATGCTACATTTAATCATTACAATG
ACCAATTTGGGAATGCTATCAGCAAGGATCTAAAGACCGACCCCAATGACAACCTACCTTAACTTCTGAGATC

TGCTATAAAGTGTCTAACTTGGCCTGAGAAATATTTTCGAGAAAGTTCTTCGTTTAGCCATCAAAGGGCTTGGG
ACTGATGAAGAGGCTTTGACTAGGGTAGTAGTAACCTCGAGCTGAGGTTGACATGAAACGCATCGTTGAAGAG
TATTATAGGAGAAGCAGTGTCCCTTTTGGTCAGGCAATAAAAGGCGATACCTCTGGAGATTATGAATCAATGC
TTCTTGC GTTGGTTGGTAAAGAGAGTGATTAAGCCAAGAGCCAAGTCTATGTTGGATATTATTATGTGTTCTTG
TTGTCAATAAGGTAAATCATGAGTACTTCTTTACGCCGCTGTGGTTTTAGTTGGACTTTCACCATATAATGTG
GTATGAAGAAAAATGTTGCATTGTGATAGCCATAGTTATTAATGGTTCATAAGGCTATCTTACATAAAAGTAT
ATGTTTATACCTTGATGCTTATATGTTTTTCATGGATATTAATGATTCAATAGTACTTTTACTTTTCTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_332 AB449345|Ipomoea nil GAPDH2 mRNA for glyceraldehyde-3-phosphate
dehydrogenase, complete cds, strain: Tokyo-kokei standard

ACTCATTCTATTCACTCACCTAACTTTCTCCCCATCTCTTTCTCTTCATCCCTTTGTTCTCCTTCTCTTCTCACA
ATCATGGGCAAAGTTAAGATCGGGATCAATGGATTGGAAGGATCGGTGCGCTTGTGCTAGAGTCGCTTGC
AGAGCGAGGATATCGAACTCGTTGCTGTTAATCATCCCTTTATCACCCTGATTACATGACCTACATGTTCAAG
TATGATAGTGACACGGTCAGTGGAAGCACCACGATATCAAGGTGAAAGATAGCAAGACTCTTCTCTTTGGG
GAGAAATCAGTCACCGTTTTCGGTACTAGGAATCCGGAGGAGATCCCATGGGGGGAGGTTGGAGCTGACTAT
GTTGTTGAATCCACTGGAGTATTCACTGACAAGGACAAAGCTGCTGCTCATTGAAGGGTGGTGCAAAGAAG
GTTATCATCTCTGCACCAAGCAAGGATGCCCCGATGTTTGTGTTGGTGTTAATGAGAAGGAGTACAAGTCAG
ATCTCAACATTGTGTCCAATGCCAGTTGCACTACCAACTGTCTTGCTCCCTTGGCCAAGGTTATCAATGATAGA
TTTGAATTGTTGAGGGTCTCATGACGACTGTCCACTCAATCACTGCAACCCAGAAGACTGTTGATGGACCAT
CAATGAAGGACTGGAGAGGTGGAAGAGCCGCTTCCTTCAACATCATTCCCAGCAGCACTGGTGCTGCCAAGG
CTGTAGGTAAAGTGTGCTCTAAACGGAAAGTTGACAGGAATGTCATTCCGTGTTCCACGGTCGATGT
CTCCGTTGTTGACCTTACCGTCAGGCTTGAAAAGAAGGCCACTTATGAAGATATTAAGGCTGCCATCAAGGAA
GAATCAGAAGGCAAGCTGAAGGGAATTCTTGGGTACACCGAAGACGATGTTGTGTCAACCGACTTTGTTGGT
GACTGCAGGTCAAGCATTTTTGATGCGAAGGCTGGCATTGCTTTGAACGACAACCTCGTGAAGATCGTCTCTT
GGTACGACAACGAGTGGGGATACAGTTCACGTGTGATCGACCTGATCCGTCACATTAACCTCTGTTCAAGTAAAC
GTTGTCTAAGAGTTCGTTCTAAAGGGAGGGGGAAGGCTTTGGATTTGTGGAGTTGCTCAATTATTAGGTCCA
GTCATTAAGAGCAGGGAGCTTTTATGTTAGCGTTGAGTTGAATAATTGGAGGATCATTATTAGGTTTTTGGG
TGAATTTTTTGTGGAACACTTTGTAATTTGTACCCTCCATTTTCTTTTTTCAGGGAATAATTTTGAAACCCTGT
TTTTTCAATTTCAAATTATAATTTGGCACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAA
AAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_333 AY391749|Nicotiana tabacum CMV 1a interacting protein 1 mRNA, complete cds

ACGATACTGTAGGGGAAGTGAGAGTGTTGCATTCAATTAATTAGCTTCTTCAATGGCATTGTGCGGAGCGAGC
CAGCAGCTGGCTTAATATCCGGCGGCAACGGGCAACAGAGAGGAGGAAGAATAAGTAGAAGCAACAGGG
GTCTGATAAAAGTTCAGGCATCGACGAGCTCTGAAGTTGGGGTGTATGAAGAGGGGCCGATTGGAGCGGCCC
AATTGGTCTGGACAGACCCCTTTGTCTCGCTTGTGCGGTGCTCTCATTTCCTTCAAACCCCTCTATTCAATTCTCA
AGCTCGGTGCCAGACAAGTTTTGATCAGTACAGCGGAGAAAAAGAACATTTTCATGGCGAAAACCTCACTTCGG
ATATTTTGGAGTCCGACGTTTATAAGGAGCTCGACAGTGTTCAAAATCCCTCCATTGTCTATCCTGATTATTACC
TAAAGCCTTTCCATGCATATGACGAGGGTAATCTCTCATGGCTTGCTGCAGCAGAAGTACAGCCTGCAACCAT
GTCGATGATTATGCGAGCTGTACCAACTGCTTCTCAGTAGATGAAGCAAAGGAAATAGTATTTGGAAATTGG
CTTCGTAGGATTGAAGAGCATCATCTGAAGTATTCAGGAAACCCTATTCTAGACATTCTTGACATTGGTTGTTC
TGTAAGTTTTTGGTACAAGGCAACTGGCTGATAAGTTTCCAACAGCTAAAGTAACAGGACTTGATTTGTCTCCTT
ACTTCCTTGCTGTGGCTCAATACATGGACAAGAAAAAACTCCAAGAAAGAATGCAATAAGATGGTTGCATGG

AAATGGAGAAGACACGGGCTTGCCTTCGAGATCTTTGACTTACTTTCCATTTCTTATGTGCTCCATGAATGTC
CCCACGTAGCGATAGTGAAAATCATCAGGGAATCGTTTCGGCTTCTTCGACCCGGTGGCACGATTGTAATCAC
TGACCAAGCGTCCAAATCAAAGGTTGTTCAAGGAATTGTCCCCTGTACTTTTCACCTTATTA AAAAGCACAGAAC
CTCATTTAGATGAGTATCACCTTACTGATTTGGAAGAAAAAATGAGAGAAATTGGGTTTGTGAATGTGACATC
AAGACTTACTGACCCAAGACATGTTACTATAACAGCAACAGTTCCACTTTGACGATGAGTATGAAATACTTGAT
TGATTTATTAACAATAATAATTCACAAAATTTTGTATAATACAAGTTTGAATTGAATTCCTTGTGTTTGTATTTTA
GTATTGGCTTCGGTCTTGGTTTGACTTTTTATCAAAGCTTCATTTTTTCGGTTTTATTAATATTTAAGTTAAATCT
AACTGTATAAGCCGTAAAAGCTAATATTTGGTTTGATTCAAGGGGAAATTGTTTTAAATATTTTAGATTTTGTCC
TTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_334 NM_001048970|Oryza sativa Japonica Group Os01g0221900 (Os01g0221900)
mRNA, partial cds

AGATTATCCTAATCAACTTCAGGAAGGAGATTCTTCCATTTCTTCAGAAGGGAGTACCTTCATCAGTTGATTGC
TCAGATGATTGTTCTGATCTTCTTCTTGTAGTGAGAACATGGCCATTGCAGCACATAATGAAGATGCCAATCA
TGCTCTGGTTGGCCACACCTATTTAGTTAAAGGAATATTGCAAAATGGGCTCTCCTTTCTTGCTTACACTTACGC
TGGAGAGCTTCCGAGCGGCGCTTTTGGTTTTAATGATCATGGACTGGCATTACCTTGAATTCAAGTGCCTCCAA
CCAATGATGAGATTGCTGCCGGGGCCATTGGACGAACTTTATCTCCGGGACCTCCTTGAGTCTACAAGTCTT
GAAAATGCAATATTTAGAATTCGCTCGGCCGAAGTATCTGTTGGGCACAGTTATAATCTGATTGATGTCCAGA
CAAGAAGAATTGTGAACGTAGAAACAGCATCAAGGTATAGATTTTCAGTTAACGAGGTTGGGGCTACACCAT
TATTCATGCAAATATGTATACACATCTTCAGATTAACCAGGTACAAGATCCAAACTCCATAAGCAGGCAGAAA
CGAGCAGATGACCTGCCAAAAGAATCAAAAATGATTTCTGTGCGTTCTAGGAGATATGGATAACAAGAAA
TATCCTATCTATATGACAGGCCCTATGCTTTACACACTGTGTACTGCCCTAATTGACCTGGACGAACAACTCTA
TCAATTATTCAAGGAAATCCAAAGAAAAATGTGATATCCCATGTCTTCTCCATGCCTTTGGTGGAGTTAAAGAA
ACCATAAGCACACTGCTGCCACCGTATGTTGCAAGTAGTCATGAAAGTTGATTCCGAGCTCTTATGCTGGTTCA
TAAAGGCCCAACATATGGCCATCAATACATCGCATGGACGCAACCTTTCCGTGTATTTCACTTAATGGAACC
ATCTAGTTCAGCTCCCATTGCCATTAATTTGGTCACTGTGCTGTTAATATTTGGATTGCATGAGAGCCAACCTTG
AGAGGCCCAGATTGAAGCTCCGCCCAACGGAGAGTGACAGACATTAACAGTGAAGTCCAAGCCTTCAGAGTAG
AATCTTGCCGCTTTAGGGACGTCCTTGTGTAATTGAAGTATCCACCTAAATGAAGCTGCTGCCATCTCTCTCTC
CAAGGTTTCACTGAGAATCTGAAGATCTTGAAGGTTACGAGGAAGCTTGAGAAAGCTTGAGGAAGCTGTAAT
CGAAGGCCGATATAGTTAGGTAAACACAGAAAAGGCCGAAAAGGAAGGCAAAAACAATAGGTAAACACACC
CAACTCCAGAACTCAAGTATGAAGACGATGGAGTGCGGAAGTATGAAGACGAAGAAATGATGCCGAG
TCTGCAGACGAAGAGGTGAAGAAGAGTCAAGA

>trans_s_335 NM_119689|Arabidopsis thaliana BSK1 (BR-SIGNALING KINASE 1); ATP binding /
binding / kinase/ protein kinase/ protein tyrosine kinase (BSK1) mRNA, complete cds

ATTGTACCACGACTTGAATGCGTACAGAGTTCTGTTTGACGAGAATGGTGACCCTAGACTTTCTTGTTTTGGAT
TGATGAAAAACAGCAGGGATGGAAAAAGTTATAGCACCAATCTTGCGTATACTCCACCTATATTTAAGAAATG
GAAGAGTGACTGCAGAAAGTGTTATCTTTAGCTTTGGAAGTGCCTTTTAGATCTACTGAGTGGCAAGCACAT
CCCTCCTAGTCATGCACTTGATATGATTCGAGGCAAAAACATTCTTCTTAATGGATTACATTTGGAGGGTA
ACTTTTCAACTGGGGAGGCAACTGTGGTTTTTGTCTTGCATCACGATGCTTACAATATGAACCTCGAGATCGA
CCAAATACTAAGGACCTGGTTGCAACCCTTGCCCTTTACAGAATAAACCTGACGTGGCATCTTATGTGATGCT
AGGAATTCCAAAGCATGAGGAAGCACCTCCGACTCCACAACATCCACTCACTCCAATGGGTGATGCTTGTGCA
AGGATGGATCTCACTGCAATTCATCAGATTTTGGTAATGACACACTACAAAGACGATGAAGGAACAAATGAGC
TGTCTTTCCAAGAATGGACTCAACAAATGAGAGACATGTTAGAGGCAAGGAAGCGTGGTGACTTGGCATTTC

GTGACAAAGATTTTAAAACAGCAATTGACTGTTATTCTCAGTTCATAGATGTTGGCACCATGGTTTCTCCCACT
GTTTATGCACGAAGGAGTTTGTGTTATCTTCTTTGCGACCAACCGGATGCTGCTCTTCGAGATGCAATGCAAGC
CCAATGTGTTTATCCCGATTGGTCTACATCTTTTACATGCAGGCCGTTGCGCTTGCCAAGCTAGATATGGACA
AGGACGCGGCTGACATGCTGAACGAGGCTGCTGCTTTGGAAGAGAAACGACAAAAAGGTGGACGGGGATCT
TGAGAATCGACCACAGTAAGTTTGCTCTTCTGTGTTGTTCCCTATCCGCAGTCTGCTATTGTTGATAGTTTGA
AACAGGAACCTAATGTGAAGTTGCACTTAAAATGGAAAGTCACCAACTCTGGTCATGAAATCAAATTGTAACA
TAGAGAGGAACCTTGTATCTTCTCAATAATTGTGTTATTTTTCTTTCCTTTAAAATTGGGGAAATATTTTCTTGG
TTCTGTTTATGTATAAGCTTAATACAACATATTTAGATTCTTGAGTGTGCATAATTGTACCACGAAGAAAATCA
GCTTTTATTATCATTGATGATACTGGATGAAGAGCAGGGCAACTTTATTCCAAGTTCAATAGGAAAAATATTCAT
TTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_336 AB453310|Glycine max GmATG8d mRNA, complete cds

TCCTCCATCAATTTCTGTTTACTACAGAAAGAGCTCCTCTCGTTCTCTTTTAATTTTGGTACCCAATCATTGATTC
CGTTGCTTCCCGATTCCCAAACCCCTTTTGACCACAGAAAGAGCTCCTCTCGTTCTCTTTTAATTTTGGCACCTTT
TCTTCGATGGCAAAAAGCTCGTTAAGTTGGAGCATCCCTGGAAAAGGAGACAGGTTGAATCTGCTAGGATC
CGAGAGAAGTATCCTGACAGAATTCCGGTGATTGTGGAAAGGGCTGAAAAGAGTGATGTGCCAGAAATTGAT
AAGAAAAAATATTTAGTTCCTGCTGATTAACTGTTGGTCAGTTTGTGTACGTGGTCCGAAAGAGGATCAAGC
TCAGCCCTGAGAAGGCCATCTTCATTTTGTGAAGAATATCCTGCCCCCTACCGCTGCAATGATGTCCGCAATA
TATGAGGAAAACAAGGACGAAGATGGTTTCCTTATATGACCTACAGTGGGGAGAACACATTCGGGGCGTGTC
TGAAACAAAATAAGACAGTAAGACGTAAACGTCTACAGAAAATGGGAAGGGGAAAGGATCATATCTGCTCTT
GTATATTCTCCTCACCCGCATCACTTGGCTCTCTGTTTTATCTTCCAAACGCAATCTGTCTGTATAGTGTTTTA
TTTTATTCACTAAAACAGTCCTATTTGCGTTATTCAAAAGTCGTGCTGTAAATAACGGGAACCTTAGCAATT
TATGATATGATATCTCATTTGTCGTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCC
CCCCCAAAAATTAACCAACCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCGGAACCCAATCCCCCAAAAAGAAACA
AAAAAACCCCCCCCACGGGGCCCCCTTTAAAAACCCCGGAACGGGAAAAACCCCGGGGTACCCAAATAAATC
CCCTTGAAAAAACCCCCCTTTCCCAGCGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCAATCCCCCTTCCCAAAA
ATTGCCACCCGAAAGGGAAAAAGGAACCCCCCTGAAACGGCCCATAAACCCGGCGGGGGGGGGGTAA
CCCCCAACGGGACCCCAAACTTGCCAGCCCCCAACCCCCCTCCTTCTTTTTTCCCTTCTTTCCCCCAA
ATTGCGCGTTTTCCCGTAAACTAAAAACGGGGGGCCCCCTTAAGGTTCCAAATTAGTGTTTACGGCACC
CCAACCCCAAAAAAATTGAAAAGGGGATGTTTACGTAGGGGGCCAACCCCAAAAAAACGGTTTTTCCCC
CTTTAACGTGAAGCCCCGTTTTTTAAAAAG

>trans_s_337 NM_118881|Arabidopsis thaliana CBS domain-containing protein (AT4G27460)
mRNA, complete cds

GTATCGGAAATTCGCTCCACCCGACCCATTTCTGCTCTTTCTCTCTCCTCACCCATTTTTCTCTTCCATTT
TCCAATCTCAATTGCTCTTGTATGGCAGCAACTTTGTTGGGCTGCGAGGTATCTGACCTATGCCTTGCAAAACC
TGCGCTTCGATCCATATCCATCTCCGCCACTGTGCGCGATGCCTTATCGATCTTGACGAAGATTGACGAAGGCT
ACATAAGCGTCTGGAGCTGTGGAGATCATTCCTCCTCTAAGGCGGATTCGGATTACATTGTCGCTGCGTCGG
TAAAGTATGCATGGTGGATATAATCTGTTTTCTTTGTAGACAAGAAAATTTGTTGCAACCGGCGATTGGGCTTC
AATCTCCGATCTCTGTTTTGATTCTGAGGGATTTGAACTCGTTAAGCATTTGGAACCTCATGCCAGTTTGATG
GAGGTGATTGACCTCATACACGATGGAATACATAACCTTGTTATCCCAATAAAAAATGAGCACAAGTCAGAGGA
AAAACATCCTCAAGAAATCACCGGCTAATTCCATCTCCTCTCTCCATAACGATCAAGAATATTGCTGGCTAGCT

CCGGAGGATATAATCCGTTACCTCCTCAACTCAATCGGACTTTTCAGCTCTACCGCCGCGAATCCTATCAATTCC
TTGAACATAATTGATACCAACAACATTCTTGCCGTCGTTACGACGAATCTGCGTTGTCTATTCTTCCTCTAATC
TCGCAAGCGCTGATTACCAATCCTCTGTGCGCCATTGTTGACTTAGACGACAAATTAATCGGCGAAATTTGCGC
GTTAACGCTCAATTTCTGCGACGAAACGGTGGTGGCGGCTATAGCAACGCTCACAGCCGGTGAATTCATGGCT
TATATAGACTGTGGTGGTCTCCGGATGATTTAGTGCAATTAGTAAAGGAAAGATTAGAAGAGAAAAAAGTTA
GAGGCGGTTCTGGAGTGGGTGGAGGAAGAATCATTAAACAATCTCATCTTCATCTTCTTCAATCTGTTCTTCTTC
AGATGATGAGTTTGGATGTGGATCGAGTAGTACTGGATCAGGGAGAAGTGAAGGATTTGTGGGTATTGAG
CGAGAGTAATGAGGAGATCTGAGGCGATTGTTTGTATCCATGGAATCTTTGGTTGCAGTGATGATTCAAGC
TTTAGCTCATCGAGTTAGCTATGTGTGGGTGATTCAAACGACGGAAGTCTCGCCGGAACAGTCACCTTCGCTT
CATTGTTGGCCGTTTTCCGGGATAGATTAAATCTCTATAGTATAACGTTTCCACAAAATTTCAAAGCTTATGG
AGTAATCTAGATCATCCAAAACCCAAAATGGTTTTGGCTTTTGGACAAAAAACAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_338 EU373052|Gossypium hirsutum gland development related protein 62-like mRNA,
partial sequence

ATCCAAGAATGAAAGCATTCAACCATAGATTTCCACTGTCTGGCCCTCGAATAATCGACCTTTTCAGAACTGTA
AAGCAGACCAAGCTTGATAGTCACTTTGTAGCTGATGTTAATGTATTTGATGGCACTATGATGCTTCCACGTAC
TCCATTTACCAAGATATGGCGACTGCTTAATACTCGGACTTCGAATTGGCCCCGTGGTTCACAGCTAGTGTGGA
CTGGAGGACACAAGTTGAGCCATTATTATCTGTTGAAATCGAGGTTCTGAGGACGGACTTCCTCCGGGTCA
GGAAATTGAAATTGCAGTTGACTTTACTACCCCTTCATTTTGTGGTCAATACACCTCGTACTGGAGTATGGCAT
CTCCATCTGGCCACAAATTTGGGCAGCATCTTTGGGTTCTTATTCAGGTTGATGAAGCATTGAGATGCCAAAT
TCCAATTTTTCCAAGCTTTGGACTTAAATTTACCCCCATACCCATAAATCCTTCCAAGAAGGTGTAGAAAAG
AATTCGACTCCTGCAGTTTCTGAAGGTGACTTTTCCCTCGTGATTCCATCCCCATCGTTGAACAAGTAAACCT
GATCATAATCTGTCTGTAAGTCACCCGATTACAAATCCTCGTAGATGAGGGTATTCTAGTTGTTCAAAGCCC
TGCCGCTACTTCTTCTAAGGAGGATAATTTGGGCTTGTCTTGCTCTGCTGTCGACCGTCAGGGAGTTGTACCTT
GTTCAACCACTGTTCCCCCTGAGTCGTGCCCTTTTATTGATTTTCTGACCAACTCCTCTGCAAACCCATCTCC
AAAACCATCCCCCAAGTTTCTCCCGCATCATCTGAACATGTCATTGCCAATAATGCCAATAATGCCAATAAC
TTGGTCGAGGAACTCTTCTTAAACACTCGAGGATATGGGATTCAAACAGGTTGATCTAAACAAGGAAGTAC
TGAAGAGGAACGAGTACGATCTAGGAAAGTCAGTGGATGAACTCTGCGGAGTTGCTGAATGGGATCCGATCC
TCGATGAGTTGGAGGAAATGGGATTCAACGACAAGGAAAGGAACAAAAGACTTCTGATGAAGAACAATGGC
AGCATGAAGCAAGTAGTGATGGAATCTTTACGGGGAGAAGGCTTAGTTGAAGAAAGGCCCTCAAACTTA
TGGATTAGAATGTGAATATATATTACAATAAATAAATCTATGGATATGACATTGTGTTGGCTCTGTTACCTAG
GGATGGGTTTTATGTTTTGTTGGAGTGATCTTTGGGTCCTTTCTAATATCTGTTCCATCTCTGTCTTTTCTTT
GCAAGGTACATATATATATATATATATGTATGCCTCTTCTAATTTTGTTCAATTCAGTTAATATACCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_339 AB234091|Phaseolus lunatus PIGPA2 mRNA for G protein alpha subunit, complete
cds

ATTCCTGATTTAGCCGACACGTACAATTTTTCTCTTTTTCTCACAAAAATTTCTCATTTTCAATCTGTTCTTAA
TTATACTCTTCTTTTCGTACACTTTTCATCTCTTCCACAAACTCCTCCTTTCGTTTTTTTTTATTCTTCAATCAATT
TTTAATCTTTGATTAAACCCCACTTCACTCCAAGAACACGACGAGTTTCTCTTAGCTGCTCTACCAATCCGCCAA
ATCTAGACCTCCGATTCCGCCACCTTTACGACGGCTGGCTTTGAGGACTGTAATATGAGCAAGCATTTTTTG
AGGGAATTGGAAACCCATTTGATTGCGATGAATCTTTGCGAGTATAACTAGTGTTCTGCCGTCTTCTATGCTGT
CTCATTTGAGTAGAAATATGGGCTTACTCTGCAGCAGAAATCGTCATTACAACGAACAAGATGCTGAAGAGAA

TGCGCAGGCTGCAGAAATAGAGAGGCGGATTGAACAAGAAACAGAAGCTGAAAAACATATACAAAACTTCT
TCTGCTTGGTGTCTGGAGAGTCTGGGAAATCTACAATTTTTAAGCAGATAAAATTGTTGTTCCAACTGGGTTTG
ATGAGGCAGAGCTAAAGAGCTATATTCCAGTCATTCATGCAAAATGTGTATCAGACTATAAAAGTATTACACGA
TGTTTCGAAGGAGCTTGCTCAAATGATAAAGAGTTCACGAAGTATGTTTTATCCAGTGAAAATAAGGATATT
GGCGAGAAATTATCGGATATCGGAGGTAGATTGGATTACCCGCGTTTGACTAGGGAGCGTGACAGGATATA
GAGACTCTTTGAAAGATGCTGCGATTCAGGAAACATATGCTCGTGGTAATGAACTACAGGTTCCAGATTGCA
CACAATATTTTCATGGAAAAATTTGCAAAGATTATCTGATGCAAATTATATTCCAATAAGGAGGATGTACTTTAT
GCAAGAGTCCGCACAACCTGGTGTGTTGAAATCCAGTTTAGCCCCGTTGGTGAAAATAAAAAGAGCGGCGAA
GTGTATAGACTGTTTGATGTTGGTGGACAGAGAAATGAGAGGAGAAAATGGATTCATCTTTTTGAAGGTGTT
ACAGCAGTAATCTTTTGTGCTGCTATTAGTGAGTAAGACCATCACTCTTTTAGCCCACTTATGATTCTGTGGCA
GTCTATGTAGATAAAAAGAAAAGCCTATACATTGAAATCTGAAAATCTATTCCATTATCATTGATGTTTTCGGAG
CAACAACCTGGGTGACATGGATGCTCCTGGAAGCTGATGAGATGGGATGCCATTTGGGACTATGTAATTGTG
CTACAAAGTTTTGTGAATGGAGGCTTTTTATTACCTCTTTTCTCTGTTTTCTTTTCATTTGTTTTCTGCTGGAGT
GGGTGGGAACCTAAGTTGGAAA

>trans_s_340 NM_001059117|Oryza sativa Japonica Group Os04g0376500 (Os04g0376500)
mRNA, complete cds

AGAGTTGCTCTCCTCTTTCCCATCACCGGACCGTGCCGCCGAGGTAGGGTTTATTCAAACAAAACCTCTCTTTC
ACTTTTGCTCCTCCCGAATACGCACGTACGTAGCTGCTTCTGCTATTCAATTCGCGTCTTCCTTCCATCGAATCCT
TAATCATGGCAAACCTCGATGGCTAGATCTTTTCTGCAGGTTGCTGCTACGGAAGAGGTTGCTTCCCCTCTTCGT
GTTGTTTCAGATTGAAGGATTGGTTATATTGAAGATAATCAAGCATTGTAAGGAGTTTTCACCAGCTCTTGAC
CGGGCAGCTTCTTGGGCTAGATGTTGGTAGTGTTCTTGAAGTCACTAATTGCTTTCCTTCCGACTCGGGAGG
AGGATGAGGAGATTGAAGCCGATGGTGCTAATTACCAGCTTGAAATGATGAGATGCTTGAGAGAAGTCAATG
TTGACAACAACACTGTTGGATGGTACCAGTCAACCTTCTTAGGTTTCATATCAAACCTGTAGAGCTTATTGAGACG
TTTATGAATTATCAGGAAAAATATTAGGCGGTGTGTCTGCATAATTTATGACCCATCAAGGTCTAATCAAGGCGT
CTTAGCTCTTAAAGCATTGAAACTCTCGGATTCTTTTATGGAACCTTACCACCAACAGCTTTACAGGAGAGA
AGTTGAGGGAGAAGAACTTATCATGGGTGGATATTTTGAAGGAAATACCTATCAAAGTTTCAAATTCTGCCCT
CATTAGTGCTTTTATGACAGAGCTTGAATCTGACTCTCCGGTCACCCAGTGTGATTATGACCGCTGCAACTTT
CAACCAATCCATTTATGGAGAGGAATGTGGAATTTCTGATTGAATGTATGGATGATTTGTGAGTCGAGCAACA
GAAGTTCCAATTTTACTATCGGAGCCTGACCCGTCAACAAGCTCAGCAACAAGCATGGCTTCAAAAAGAAGA
GCCGAAAACATGACAAGGAAGGCAGCAGGAGAAGAGCCTCTCCCTGAGGAGGATCCTACAAACCCCATCTTT
AAACCACTCCCCAAGCCATCACGTTTGGATAGCTATCTCATAACGAATCAAATATCAAACCTACTGCAATCAAAT
TAATGGGGTTGCTGGACAGAGTTTCAACAGACTTCATTTGATGAAGGCTCTTCACGACGACTAATTTTGATGCT
TTTGAAGGTCTATTCTCTTCGCTGCATCTTCATTTTGTAAATTCAGTGTGAAATTGGGAAGAGATAGAACTAGAG
ATTTTACTTTTACATGATGGCTACCTCCGTAGAAGTGGATGTTGTAATCTATTTGCAATTCATTCAATATTATTG
TTTTGAAATCCCATGTGGGTTTTTGGATGATGCCTTTGCTAAAACGTGTTTTAAGAAAATTACTTTTTTCTTGAG
CATTTTTGGGGAGGGGAACT

>trans_s_341 AY105868|Zea mays PCO101990 mRNA sequence

TTCCCTCTCTCTCTCCCGGCTCACCTTCCAGATCACACCAGGAGGGAATTCAGAGGTAGATCTGATGTACTT
GGTGGTTCGATCTCAATTACTCTCAAGATCATGATGGCCCTTGAACGCAAAGAAAGTATGCAGAGGAACTGTG
AGGCCTCTATAAAATGCCTCCAGAATAATGGGATGCCATTCACTCTGCAACATAGTGGAATTTCTGCGGATGG
TTTCCAAGAACTTACGGATGAAATCAGTTGTCATGCCAACAATGATATTCCTGAAACAAACCATCCATTGGTTA
ACAATTTCAATTGAACGTCCAAATGAATTTACAACAACCTGCTTATCAGCATAATTCTAGCTCATGGCCAGCC

TTCCACTTTGAGTCTCAAAGGTGCAGCAGTGCCAGATGAGTGCTTCTGATTGCCAGTTCTACTCTTTGCCAGT
GGAGAACCGCTTCCAATATTTTCTTTCAAATGTTTGAACATAATTATTGCGATGTTGGTTGCAAGAGTTCC
AATATTTTGTGGTTATAGACTTTGAAGCAACGTGTGATAAAGATAGAAATCCCCATCCACAGGAGATAATTGA
GTTCCCATCTGTCATTGTAAATAGTGTGACTGGCCATCTGGAAGCTTGCTTTCAGACTTATGTGCGCCCACTT
GCAATCAGCACTTGAGTGATTTCTGCAGGGATCTAACTGGCATTGAGCAAAATTCAGGTGGACAGAGGTGTTAC
TCTCAATGAAGCTCTCCTCAGGCATGATAAATGGCTTGAAAAGAGGGGGGATTAAGAATACAAATTTTGCAAGT
GTAACCTGGTCAAACCTGGGATTGCCGAGTCATGTTAGAGTCGGAATGCCGTTTCAAGAAGATTCGGAAGCCTC
CATATTTCAACCGATGGATCAATTTAAAAGTTCCATTTCTGTAGGTTTTTGGGGGAGCACGATGCAATCTGAA
GGAAGCTGTTGAGATGGCAGGCTTAGATTGGGAAGGTCGTGCTCATTGTGGTCTTGATGATGCCAAGAACAC
TGCTCGTCTACTTGCTCTTATTATGCATAAAGGCTTCAGATTCTCCATAACCAATTCATTGATGTGGCAGACTAC
TGACTGTCCATTGCAATGAAACAATCCCCAGAAACCGTTACGTTCCCTCCGCAACCGCCAATGAAACCAAAA
CCTATGCACATTCCATTGTCCAATACTTCCCCTACTGCTTCTGTGGGGTCAGAAGCAGCAGAGGTATGGTTTCG
CAAGCCAGGACCAAAGCAAGGGAGTTTCTTCTTTGGCTGTGGGAACTGGACTGCTACCAAGGGGGCACGTTG
CCATTACTTCGAGTGGGCCTCTCCCTGATGCATGAAATGGTTTATGAATCTTCTTATTGAAGAGTTCACTAAAT
GAACTTATGTAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_342 EF555556|Gossypium hirsutum biotin carboxyl carrier protein subunit (BCCP1)
mRNA, complete cds

TCACGTGGTAGTTAAGAAAAGAGACCCCATTTTACCAAAGACAAGTGACAACAAAGGGCGACCGAGTTAATC
TCATCTTCTCTCTCCGTCTCATTGGTTTCATCGTCTTTCCCTTCCCTTCGCCACCTCCATCTTCGCCGGCGGACA
TTCCTAAGCTCTCTCTCTCTCTCTTCTCTTTCACTACAATCTCTTTTTCATTATCGAACAGATTCATTTTTT
TCTTTCATCTCATATCATCCAATGGCTTCCTCCGTTGCTTCAGCTTCAGCAGCTTCGCGAGTGGCCAAACCTCC
CTCCACTACTCTGCCTCCTCGCACTTTCACTACAACACCTCTCATTCTTCGCTCTCGTTTCGCTACCCAACAAG
CCCAAACTCCGAATCTTCACAAGGGGGGGTGCAGCCTGTTGTAAGCATTCACTTTTATTCAAGCACAATTGAA
CGAGTTGTCTGTTTCATTGAAGGATCCTGTTGATGTACCTACTGTTGCAAAGATTACATCTGAATCTGATGTTTT
AGCATCAGATGGAAGTGCTAAGCCATCGAGTGATCAATCTTCTAAATTTTGGCAACGGAAGAGTCGATCTCT
GAGTTCATTACTCAAGTTTCAAGCCTTGTCAAATTGGTTGATTCCAGAGATATTGTAGAGTTGCAATTGAAACA
GCTTGACTGCGAAGTGGTAATTCGGAAGGAGGCTTACCACAGCCACCACCTCCTGCTGTGGGTCCAATG
ATGTATGCACCTCCACCGTCAGTAGCACAGTCAGCTCCTCCACCTATGCCTGCTGCACTACCAGCGCCTGCTTC
TGCTTCAAGTGCACCATCTTCACCTCCGCTGCCAAGTCAGCCACATCCTCCCTTCCAACCTTTAAATGTCCTAT
GGCTGGAACATTCTACCGTAGTCCGGGACCTGGAGAACCACCATTTGTGAAGGTTGGCGATAAAGTTCAGAA
GGGACAGGTTTTATGCATCATTGAGGCCATGAAATTAATGAACGAAATAGAACTGATCGATCGGGGACCAT
AGTCGAGGTTCTTGCAAGGATGGGAAGCCTGTTAGCGTTGACACGCCTTTGTTGTCATTCAACCTTAGACT
AATCCTGTTTCAATACAAGTGACGAGTTAAGCAGATGAGATTAAGATGAGTTTGGGAAGCAAATTGAGTTTC
CAAGGAAGTTTCGTTGTGAGTTAGTTATGGTAGTGTCTATTTTATCCCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT
ATTGAGTGTAGACAGAGAGATATTGTGTTGATAAATGTCAATTCCTTTTACCAGTTTTTGTGGGAACTTTTCATC
CTTCTTTGTGATATCTGATATAAATATATTTATCCTCTAATAAGAACTGCTTATTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_343 NM_121111|Arabidopsis thaliana binding / catalytic/ coenzyme binding
(AT5G10730) mRNA, complete cds

AGGCTCACATCGAGCCACAAGGCCTCAAACCTGTCGCATCCATTGCGCGCCACGTTCTTCATTCTCCTCTCCCCC
AATTTCTCTGCCCAAAACCTTCAACCTAAACTCTTCTGCTTCATTAATCGTTTGTTGATTTTTGACACCGAA
ATCCACACACATTTAGAGAGAATTCGTTGGTGGGTACGAATAGAACTTTCGAACAAGGAATTGCTTACAGTTT

AATCGGATATGAGTTCGACTCTTTCGCGGTTGATCCATTCGAGATCATCGTTTCCCAAGTTGTATACGATGGCC
GCTTGTGCGAGTGGAAGACCGTTTTCAACAGATTCTAATAAGATCGATGAACCGTTCAAGGTTGAGGAAGCT
GAAACAGTTAATGTTCCCCCACCTCCAAGTGAAGAAGCTGCTGGTGCTGGGTGGAAATGGATTGTGGGCTCTC
ATATCTGTCAAGAAGCTTTAAATCGTGGTCTTACAGTTGCTAGCCTTAGTAGGTCAGGAAGATCATCAATACGT
GATTCTTGGGCTAACCATGTAATTTGGCATCAAGGAAACCTTCTTTCACCTGATTCATTGAATGAAGCTTTTGAT
GGCGTTACAGCTGTTATCTCTTGATTGGTGGTTTTGGCTCTAATTCTCAAATGTACAAGATTAATGGGACGGC
AAATATCAATGCAATCAGAGTTGCTTCAGATAAAGGTGTGAAGAGATTTGTATACATCTCTGCGGCTGATTTT
GGCTTGGCTAATTACTTGCTACAAGGATATTATGAGGGAAAAGCGAGCAGCTGAGACAGAACTCCTCACTAAAT
TTCCTTATGGAGGAGTGATTTTGAGGCCGGGATTTATTTATGGGACCCGTAATGTTGGGAGCATGAAGTTGCC
TCTGGGAGTAATTGGTTCTCTTTGGAAATGGTTCTTCAACACGCCAAACCACTACACCAGCTACCACTCATTG
GTCCCTATTTACTCTCCGGTAAGTGTGACATCTGTGGCGAGGGTTTCTGTTGCGGCAGCAACAGATCCCGTC
TTTCCCCCTGGCATCATTGACATCTATGGTATACAAAGATACAGTCAACACAAGTCGAAATAGATTTGATAAGA
GACGTAAAGACACGAACATTTTCTGTCCTTATGGCATATATAAATATATTAGAGAAAATCCAAATCTAAATGTC
GGTTGTGTCTTCTCACTTGATGGGATTTACTTTGACAGTTTGTGTAGTGGGTTGAAGATGAAAGACGGTTCATT
TTCATGTATCTGGTGCCAATAATATCGTGCAGAGATCTGCAATTCTTTTGATAAGCCATCTTCTTTTGCCCT
TCCCTTTCTAATTTTGTGATAGGGGAAGAAGTGTCTGAATGGGTAGTTCTTTCAGAAACCCAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_344 NM_121474|Arabidopsis thaliana cinnamoyl-CoA reductase-related (AT5G14700)
mRNA, complete cds

AACTTCCAATGGGCATTGCAGGAGCCCCAACATCAGCGTCGGACAGTGGATTTGGAGGACCTCCGCCGCATCTC
TGAACGTACCCCTATGCATCGGAAGGATTCTGATGACTTCTATGGAAGGAGAGTTTTGTCCAACCTCCTCCTCTG
ATACCGACGAGGAGCCCGGCGACGAGCTTGTTGCGTTACCAAGTGGCGTCTCTCTTAGGCCTTGCGCTCGT
GAATCAACTTCTGCAGCGTGGATTTCCGTTGCGATCCTCCTCGATAATCCAGATGATGCAGAAGATGGAGGA
AAAGTGAGAGAGATGAAATTGAAATCAGAAGCAGGTGGTGGAGTTAGCCGAATATCGACATTGTCGGCCGA
TCTAACGGAGAGCCATAGCTTAGTAAATGCATTTGAAGGATGTCGTGGCGTATTCCATACCTCTTCTTCATCG
ATCCTTCTGGGCTCACCGGCTATTCGAAAGCCATGGTTGAGGTGGAAAAGAAGGTGAGTGAGAATGTCATGG
AGGCCTGCGCAAGAACGTCATCCGTAAGATACTGTGTTTTTACCTCTTCTTTTGGCCTGCATACGGCGTGAC
GGAACACGAGCCGAGCTCCCCCGGTCGTCGACCATGATTGTTGGAGCGATCGATCACTATGCAACGATAAA
AAACTATGGTATGCTTTGGGGAAGCTGAAGGCGGAGAAGGCAGCATGGAGGATTGCAAAAGAAAGAGATAT
AAAGTTAGTCACCATTTGTTCTGCCTTGGTAACCTCCTCCTCCAAACTCTCTACAACAAATTCAACTCCAACAAT
TGCATATCTCAAAGGAGCAGAAGAGATGTATGAGCAAGGGCTACTGGCAACGGTGAGCGTGCGAAGATTGG
CAGAGGCACAGGTGAACGTTTATGAGGCAATGGGAGAAAACGAAGCACATGGAAGATACATTTGTTTTGATC
AAATAATCAAGACAGGAGCTGAGGCAGAGGCTTTGGCAAGAGAAATATGTATCCCTATCACCAAATTTGCC
AATCTCAAGAAGAAGAAGCATCAACAAGCACTTCTAGTAAGTTTCAGTTATCAAATAAAAGGCTTTTCAATCTC
ACTTCTTCAAGAGCTCCTTCTACTCGCTGTTATTCTCTAAATGCATTTCCCTAATCCAACATTACTCTTTTCACTT
CGTTCATCAAAATCAATAATGTTTTGTATAATGGTGCAATTGTGTTAAAAAGAAAAAGTGCATAGATAAGTCG
TAATAAATGATGAAAAGTATGTATTCCAACATAGATGTCTGAGGTTGGAATTGAATCTCAGACATTAAGCTAA
AAAGAGGGGATAACATGCTTAGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_345 NM_112402|Arabidopsis thaliana UBC25 (UBIQUITIN-CONJUGATING ENZYME 25);
small conjugating protein ligase (UBC25) mRNA, complete cds

ACTCCTTTTCAACGCACCGCCAAAAACGTTTAGTTTTCCCGTCACTATCTTAAAACGACACCTCCTCCGTCGTTTT
GATACCAAAGGAATCAAATCTCTCATCTCTTTTTATTTGTTTTATTTTATTTTATGTTTATTTATTTCTCTCCCTCA
AGAAAAATAAAAAATAAAGACACAAAAAATGGCTTCTCCATCTCCATCTCCTCCTCTCGACGGCGAAGA
CAAACATCCGACCACCGTCGATGGCGGAGACGAACCAAACAGATCGCTTTCGTCTCCGTCTCCATCGCCACCG
TCGTTCTCCTTCAAACGCTTCGACATCGTCAGCGACTACTCCGATCACCATTACGCCGATTCAAACCTCTTCCCG
AACTGCATTGGATCAGACGTCTCGAAGAAGATCATGAGAGAATGGAAGATTCTCGAAAGAAATCTTCCGGAA
TCAATTTTCGTTGCGCTTACGAAGAGCGAATCGATCTGTTAAGAGCAGTAATCGTCGGTCCATCCGGAACAC
CATATCACGACGGATTATTCTTCTCGATTTAGCCTTCACTTCAGACTATCCAATTACTCCACCAATGGTGTATT
ACCATTCCTACGGATTGAGATTAAACCCTAACCTATACGAAGACGGTTACGTTTGCTTAAGTTTAATCAACACC
TGGGATGGAAAAGAAGAAGAGAGATGGAATCCATCAATTTCAACAGTTCTACAGATTTTAATATCGATTCAAC
CGCTGGTGTTGAATGAGAAGCCGTATTTCAACGAACCGGAGTTGGAAGAAGAAGAAGCGGATGATCAAGGG
GAGATTTACTCAGATGCGTATAATAAGGAAGTGATTTGTTGTGTTGTGAGATGATGATGAAATTGATGAAGA
ATCCGGTGAAGAATTATGAAGAATTTGTGAGGAATTACTTTGGGGAAAAAGGGGAAAGGATATTGGCGGCA
TGTGAAGCATATTCCGATGGAAGAGTTAGGGTTGGGAGATACAATGAAAATGAAAAGAGAACAACAACATC
AACAACAACAATAATAATGGTGAGACCTGTAAACGAGGGGATGTTTCTGCCATTTTCAAGGCGTTAATGG
AGAAGACACATCGGGATCTGCACGCAGCTTTTCTCATTCTGCACCTCCTCGTAGACGGTACGAACTCCAGC
TTTTTGCCTTTTTTTCTTTTCTTTTAAATTATACAGAAATATTTCCGGTTAATCATAAGAAAATTATTA
CTTTCTTTTAGCCACAAAATTACTCTTAGATTAATTGGGACTTGGAATGGTGTGACAGACATGTCTAGAGAAG
AAGTCTCGAGTAATTCGAGCAATATTGCAATTTGAAATAAATAAATAGTTTATGAGTGTTTTCTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_346 NM_116044|Arabidopsis thaliana seven in absentia (SINA) family protein
(AT3G61790) mRNA, complete cds

TATCGACCTATCAGAAATTTTGAATGAAAAGGGGAAAAGAAAAAACTTCCATTATTAATAATCCCTCCTTCT
AAATCCCTCCTTCTACTTCTTTCTCCTCATTTCTCCAATCTCAACCACCCATTTTCATCTCTTTGATCATCCATCTTC
ATTCCTTTCTTCATTCTTCACTTTTTCTCGACACCCTTTTCATTTCTATCCCCAATTCGCCGGTTTTTCATGGC
GAATACCTCTTCCCCTACAAAACCCATCATCACATTTTGATCCTCTTTCGATTTAATTAATACCCAGTTGGATAG
GTTTTGTTTGTTCGTAAAAATGGAGCTGGATGGCATCGATGGTATGCCATCCATGGATGTGATGGACGAGG
AAGATAAGACCCTTCAACGTCACTGTCAGTTTCCTTCGATTTCGAATCAACAATAACGACAATCCC
ACAACCACAAGTGTCATGAGCTTCTGAATGTCCTGTTGTACCAATTCTATGTATCCCCCAATTCATCAGTGT
CCCAATGGACATACCCTCTGTCGTCATGTAAACAAGGGTAGACAACCGTTGCCGACATGCAGACAAGAGC
TCGGTGATATCAGATGTCTAGCATTAGAAAAAATAGCTGAATCGCTTAACTGGCTTGTAATTCTCCACATTT
GGGTGCCAAGAGATATTGCCTTACTACAGCAAACCTCAAACATGAATCTGCCTGTTACTATAGACCATATACCTG
CCCTTATGCTGGATCAGACTGCCCAATTGATGGCAATATTCTTTCCTTGTCTCATCTTCGGGATGATCACAA
GGTCGATATGCATTCTGGATGCACGTTTAATCATCGTTATGTAAAGGCTAATCCATGCGAAGTTGAAAATGCC
ACATGGATGCTAACTGTCTTCCACTGTTTTGCCAGTATTTCTGTCTTCATTTTGAAGCCTTTCAGCTGGGTATG
GCACCGGTTTACATGGCATTCTGCGATTTCATGGGGGACGAATCCGACGCTCGAAACTTCAGTTACAGCCTCG
AGGTTGGTGGAATGGCAGGAAGCTGATTTGGGAGGGCAACCCTCGAAGCATTGGGACAACCACAAGAAA
GTTAGAGACAGCCATGATGGTCTCATTATACAGCGAAACATGGCGTTGTTCTTCTCGGGAGGACAAAGGAAA
GAGCTGAAGCTGCGGATCACTGGACGGATTTGGAAAGAACAAAATAAACAGTAAAATTGTTAGAGATTCAAC
TCTTTATGTATTGACTGTAATGCATAACATTTGCTTCACTTTATCCAGCAGAAGCCAATCTTGAATCAGTTTCAT
ATCTCTATTTTCAAATCTAACAGGAAGAAAAAAGGCCTTAAACCATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_347 NM_001054014|Oryza sativa Japonica Group Os02g0625500 (Os02g0625500)
mRNA, partial cds

AAGTTTGAGAATTGTGCCACAACTCCATCACTCACTCCCCAATTCCAGCTATAAATCTCCTCCATTTCTCACC
TTCAGATCTGAATCTCATTCTCTATTCTCTAATTTCTCTAATTTCTCCGGGTTCTCTTCCACTTTCTTTTCATCAA
TGGCCTACGATGGTATACTTTTGGGGATGGGCAATCCTCTTCTTGACATTTCTGCCGTGGTGGATGATGATTTT
TTGAATAAATACGACATCAAGCCCAACAATGCTATCCTCGCGGAGGAGAAACATCTTCCAATGTATGAAGAGT
TGGCAAAAAATCCTAATGTTGAATACATTGCAGGAGGTGCTACACAAAACCTCAATCAAAGTGGCACAGTGGAT
GCTTCAACATCCTGGTGCACGAGCTATATGGGTTGCATTGGAAAAGACAAGTTTGGTGAGGAGATGAAGAA
AAACTCAAAAAGTGTGGTGTCAATGTTCAATATTATGAGGTTGACTCTACACCAACAGGAACCTGTGCTGTTT
GTGTGGTGGGTGGTGAAAGGTCACTAGTTGCCAATTTGTCAGCTGCAAATTGCTACAAGTCAGAACATTTGAA
AAAACCTGAAAATTGGGCATTAGTTGAGAAGGCCAAGTATTTCTACATTGCTGGATTTTTTCTCACTGTATCAC
CAGACTCCGTATTGCTTGTAGCTGAGCACGCAGCTGCAAACAAAAAGTATTTCTCGATGAACCTGTCTGCTCCA
TTTATCTGTGAGTTTTTCAAGGATGCACTCGAGAAAGTTTTGCCATACATGGACTTCATTTTTGGTAACGAAAC
TGAAGCAAGGACGTTCTCTAAAGTTCAAGGCTGGGAGACTAAGAATGTTGAGGAGATAGCACTAAAGATTGC
TGCGTGGCCTAAAGCATCAGGAACACACAAAAGGATTGCTGTTATTACTCAAGGTCCAGATCCAGTTGTAGTT
GCTGAGGATGGAAAAGTGAAGAAGTTCCAGTTATTTTGTGCTTAAAGAGAAAAGTTGTTGACACAAATGGA
GCAGGAGATGCGTTTGTGCGAGGCTTTTTATCTCAGTTGGTTCAAGAAAAACCGATCGAAGACTGCGTTAGAG
CTGGCTCTTATGCATCAAATGTCATAATCCAAAGGTCTGGGTGCACATTCCCTGAGAAGCCCGACTTTAATTGA
GCATTTTGCTCTTGCGAGACCTTTGCGCCTCCTCTAGCTTTCTACCCATTGCTCTTATTTTATGTTCTCTTCTCGCC
TCTGTTTCGTGTACCACAGCTCATGCAGATGTTGCCTATTTTTGCACATCCATGGCCGTTACCATATCCCTGTTA
TTTCTCTTGTCTATAAAGAATGAGATATTTTTATATAATAGAGTACTTTACGATTAAAGAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_348 NM_001053537|Oryza sativa Japonica Group Os02g0527200 (Os02g0527200)
mRNA, complete cds

ATCCATCAAACCGCAAAACGGATCCACCTATCGTCGTTTCTCTCCTACGCTATTCGCCGCCGTAAAACTGGGTA
CCAACCGCCGTCCGTCCCGCGACGGAAAGTCTGGGAGTTATAACAACTCCGAAGCTCTCGATCTCCGCTTCGA
CCGGCGACTGAGGTATAACAAGAGAGGAGTACCATAGAGTACCTCATTACTCTTTGATTCATATTTAGGAAC
GATGCCGAACCCTAGGTCTCACAGGAAGGGGAAACTTGCAGGAGAAGTCGTCGTCATTCCACGGAGAGAGTCC
GACCAAGACGGCGACGACGCTCCGGAGGCCGAAGACGGATCCGGAATTGTTGTCCTTCAAGAATCTAGGTTT
ACCGGCGTCGGCGCCGTCGCTGGATGGACGACCGAAGATGACGAAATTACTCCTCAACGTGACGATTCAGGG
AAGTCTAGGTCCAGTACAGGTGTTGATGTCGCCGAAATGACCGTGGCTGATCTTGTATCGGCGACCGTTCTGT
CAATACTTGAAAGAAGGCCGCCGCGGCGGATTTTGCCTACTGCAGATCCTTCCGCTTTTGGTCTTCATTACTCGCA
ATTGAGCTTAGAAAAGTTTAAACAAGGAAGAGAAGCTGATCGCGTTGGGATCCAGAACTTCTTTCTGTGTCCT
AGAAAGTCAGACGATAACAACAATTTAATTGCTTCTCCTTCATCTTCTCGTGCTCGAAAGAAGCTAAAGAAAAG
CGCGAAGAGTAATTCCAGCAGTTTCAGTTGGTTCAAATTCATCGATTTCCGATTTAGAAACCGCCATAAACC
AATCTATTCATACATACATATTCAATCCGCCACTGTGAAAACCTCATCTTCAAATTCTCAAAGCCATATAACTTTT
TTATTATCTTCAATTCTAAGAACTTCTTAAAGCCAATTTGAGATATCAGAATTTGATCGAGCAAAGGGAAACC
GAAGATCATTTCTGGAATTCTGTTCTTCTGCTGCTTCTGCTGATCGACACAGGGGAAATTTTCAATATGTATA
TATATAATATAGTTTTTGTGAGATTTCCGGTTGGTGAATAGAAATTATGTGAAATTTTTTGTGAAATTCATAG
ATCATTTTCTCATATTATGAAATTTCCCGATTTCGATGAACAGAGTCACGGCAGGAAAAAAAAAATCCTGAGATT
CCGTGAAGGATGAAGAACTTCGTGAAAATAAAGTGTGGTGGAAAGGAACTGACGGTTCGGTTTTGATATG
GAAAGAGATACGTTTGTGAAGAACACAGTTATTGTGAAGTTCGATGTCTCCACCACTCTTCTTTTCTATTGC

ATACCCCTAAGTCTTATAAGGCACGTCAATTTGTATCCTTATAATTTTATTAATTAATATCTAAAATTCCTAT
GTTATTTTGTAAAATTAAATT

>trans_s_349 NM_126401|Arabidopsis thaliana band 7 family protein (AT2G03510) mRNA,
complete cds

AATCCGCCAAGCAGAGTCTACAGAACTCCACTATTTTGATTTCAGTTTTCTCCACATCGATACCCCGCCATGGAT
CGTAATCAGCCGCTGCAACCGCCATCTCCGCAGCCTCGTCTCCAGAATCCGGTGGGAGTTCCTCATCCATACT
TATAGTTTTCGCCTCCTCCTGGCCATCTTTCCATGGTGGTCTTTCCATCTCAATCAAACCTGTCAAGTAATCTT
TCTATTTTACATCAAGTACCGGAGGGTCATGTGGGGGTATATTGGAGAGGAGGTGCCCTTCTGAAGACAATA
ACTGATCCAGGTTTCCATCTGAAGTTGCCACTGATAACCCAGTTTGTGCCTGTTCAAGTGACCCTCCAAACCGA
TCAAGTAAAGGACATTCCATGTGGTACTAAGGGGGGTGTGATGATCAACTTCGAGAAGATAGAGGTTGTCAA
TCGCCTCCGCAAAGAATATGTGTATGACACCCTGGTCAACTATGATGTGAATTATGATAACATATGGATATATG
ATAAAATTCATCATGAGATCAATCAGTTTTGTAGCTCCACAGTCTTCAACAAGTTTATATTGATGTCTTTGATC
AGATCGATGAAAAGATGAAAGATGCCCTCCAAGGTGACTGTACACGTTATGCTCCTGGTATTGAAATAATCAG
TGTTCTGTGAACCAACCTACCATCCCAAATTCTATCAGAAAGAACTTTGAAGACATGGAAGTGGAACGTACA
AAGGTTCTAATTGCCGTAGAGAGACAAAGGGTAGTAGAGAAAGAAGCAGAAACCAATAAAAAATGGCAAT
TAGCGAAGCCGAGAAGAATGCTAATGTTAGCAGGATCCTCATGGAACAGAAATTGATGGAGAAGGAGAGTT
CCAGGAGACAACAAGAAATTGATAACCACATCTATCTTGCTCGTGAAAAGAGTCTCGCGGATGCCAATTATTA
CCGGGTACTAAAAGAAGCTGAAGCCAACAAGTTGAAGCTTACACCCAGTTTCTTGAGCTAAAATTTATCGAG
GCCATTGCTGATAATACAAAGATTTTCTTCGGGGACAAGGTTCCAAACATGATTTTCGATCAGAGGTTGCTCG
GAAACTTCCTGCATCAGGTGGCGGAAAATGAATCAAGAAAAGCCTCAGGGGAGGCAGATTTAGAAATGTAAT
CCAAGATTTATCTTCTAATGGTCAGATAACGTTTCAATGGGAAGCAATTTTCGTGATGCATCATTTGACAACT
CAAGTAAATACCTCCATTGAGATTTTCTTTCTTGTTTAGCACACAAGTCTGTTTCACAAATTTTGAGTACTTACC
AATAACGTGATTTGAACTGTCATGAATAAATTAATTTTAATAAATTTTGAGAGTAATGACGTGAACTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_350 NM_001075071|Oryza sativa Japonica Group Os11g0703600 (Os11g0703600)
mRNA, complete cds

AACCGTTTTATTCTCTCTTCCAAAGAACTTGCTCCAAATTCATCTATTGCGTTTGTTCCAGGCCACAATCTACA
GATTCTTAAGTGATTTTAGTTCTGATTTTGGAGATTTTCGACGATTTCTGTTTCATGGGGTTTTAGAATTTGGATTG
TGGAGTGGGGGGTTTTGGTAATTAATGGTAGGGATTTGAGATTGTTCCCAATTCAAAGGGGAATGACTTCTTT
TAGTGGATTAGGAATTGGGTTGAGTTTTTTTTTGGGTGTCTTCTGTTTGCTCTTGTTGCCGGGCTTTACTATTT
GCTATGGTGGAAAGAAAAGAAGTATAACTTCTCACAAGCTGAAGATGAATTCACCAATTATGCTAAAGAGTTT
TTTCATCTCATTTGTTGGGATTGGAAAAAGGGTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTATTACAACAACCAACAATT
CTAGAGAAAATCAAAGGAATCTAGAACTGAGGAATCAAGAGTCTGATATTGAAATTGGTTGTAGTAAAGATT
TGTTGTTGGAATCATCTGGTGGAGAAGATGGAGGAGTTGAGTTAGAGTTGATGAGACTGCATAATCTTGACAG
GTCCACCAAGGTTTCTTTTACCATTAAAGAGGAACTAAAGAAGATTTAGAATCTGAAGATAGAAGCAGAAA
AGGATCAAGAACAAGAAGTCTAAGTGATCTTATATTAACAGTTGATACTCCTTTTCTTACTCCTTTGCCCTCTCC
TCCATTCAAGCCAACAACATCTCCATTAAACCTTTGAATTCTTCAAACACCATGGATTCAATATAAATCCTCT
CTTTGAATCATCAAATGATTTGGATTTGAGTAGGCTCTTATCTTACCTCCCCCAAAATTTAAGTTCTTAAGAGA
GGCAGAAGAGAAATTGTACAGAAAATTAATGGAAGAAGCTCAGAACAAGCACAAATAAAAAATGCTGGGTCAG
TTCAAAGTTCTGAAATTAGAGCCATTTCCATTCTAAAGAAGCAGTTTCGAGAAGAAGAAGGTCATCATGTCTC
ACCATATTCTTCAAGTTCTTACAGGTTCTTCTTTAGCTTCTTCTCCATCTTCAGAGCACATATATATTTGATAA
TGTTATTTTTTTTATTAGATAGGTGCTTATGATTCAATTGATAATTCAGCTTTTGAGTTGATTGCAATTATGTATC

>trans_s_351 AB061671|Prunus persica PpNiR1 mRNA for nitrite reductase, partial cds

>trans_s_352 AF020269|Medicago sativa chloroplast malate dehydrogenase precursor (p1mdh)
mRNA, nuclear gene encoding chloroplast protein, complete cds

[illegible]

CTGCTTCAACTGCTGTATCAATTGTTGATGCCATAAGGTCTTTAGTTACTCCAACCTCTGAAGGCGATTGGTTTT
CATCTGGGGTATATACCACTGGAAATCCTTATGGCATAGCAGACGATATTGTTTTCAGCATGCCATGCAGATCA
AAGGGAGATGGTGACTATGAACTTGTGAAAGATGTTATATTTGATGACTATCTCCGCAAGCGAATTGCCAAGA
CTGAAGCTGAGTTGCTAGCTGAGAAGAGATGTGTGGCTCACCTCACAGGAGAGGGTATTGCTGTATGTGATC
TGCCAGGAGACACAATGC

>trans_s_353 BT012583|Arabidopsis thaliana At2g27090 mRNA, complete cds

AACTCAAAAGAGGATGTCGAGGACTACTCTAGCAACTTATTCGAGAACTTCTGCATGAACTCTGGTAGTCATG
CTTCAACCTTGGATAGGCTTTATGCATGGGAAAAGAAGCTCTATGATGAAGTTAAGGCTAGTGAGATGGTCA
GGAAAGAGTATGACCTCAAGTGTAATAATGCTACGTCATTTAGAATCAAAGGAAGTTGGTCTACCAAAAATCGA
CAAAACACGAGCTGTTATCAAGGATTTACATTCCCGAATCAGAGTGGGAGTTCATAGAATAGATTCTATATCA
AAGAAAATTGAAGAATTGCGAGATAGAGAGCTCCAACCGCAACTCGAAGAATTAATTGAAGGGTTAAGTCGG
ATGTGGGAAGTGATGTTTGATTGCCACAAGAATCAACTACAAATCATCAAAGCAGCATCATACCACGGCAACA
TGAAAATCTCGATGCACTCTGAAACAAGGAGGCACAACACCATTTATCTTGAAACTGAACTCGCATCTTTATCA
TCAAGTTTTATGAAGTGGATTACAGCACAGAAGTCGTATCTGCATTGATAGATGGATGGCTTCTCAAATGTG
TGACTCTACCTCCATCCAGGGGAAAAAGGAGAGCACAGACTCCATCCATCAAACTTTTGGACCACCCCTAT
ATACATTACATGTAGTGTCTGGTTGGAAAAGATTAAACGAATTACCAACAAAGGAGGTCGTAGATTTCGATAAG
GATTTGGCAGCTGAAACTGCCCCGTTTTTGCCTCATCAGGAGAAAAACCCAGGGAAGGGGAAGGTTGCAAAA
AAATCTTTCAGTCTTAACATCGTTTAAGGGTAACAATGACAGTGAGTCAATAGGGAATAATTTGGTACAAGGG
GAAGCATCAGAGAGCTTGATCTCTGGTTTTGATCATTTGAGACCAAGCTTGGTTAAGTTTTTGGAGAAATTGAA
TAACTTTGCAGATTCTTCTGTGAAAATGTATGCAGAACTTGGGAAGACCATTCAAGAATTTAAGAGTCATTACG
AACAGTGGAAAGCCCAGAGAATGGAGACACAAGCGGGAATCTGAGTATGAAGAAGAAAATGCGAAGGAAA
AGGTAAGAGGGGATTTGTATATGAAAAACAAAATAAAGAAGGCTGTTCTATGTCTTACCAAAACCTGGAAGC
AGAAAATAAAGGAGAGGCTGATGCAAAACAAGCACATATAAATATAGAAGTATATATATGAAGATAAGAAG
ATTGATGTTGGAAGGTGTAATTACGAGTGTTTTACATTTACACGTCAAATAAAATCAATTTGCAGAGTTAATA
TTAGGGGCATTGTACAGTTCTATTTCTCCATATAAAACACAAGGACACACCTTCTCTATCTTGTCTTAGTTCAT
TCATATGAAACTTCATCACATCATTCTCTCAA

>trans_s_354 NM_001070656|Oryza sativa Japonica Group Os10g0135600 (Os10g0135600)
mRNA, complete cds

TGAACTTCCGCCAATTCATTCTTTACATTCTTCTTACTTTTTTTTCAACTGCAAGGCCACCGTCCATCGGCCCCA
TGAACTTGGATTCCGACCGTCGGAGCTTTCTTTCTTTCCCCGGAAGTGATTTCTTCGATCGATCTCCGCGAAA
ATGTCCGATTACCCCTCACCCCTCAAAGGAAAACGATCCCGGAGCCGCTGTTGAGGTGGGGTTCCGGTGTTG
CGTTGTTGTTGCAGCGAAGAAGTCGCCGATCGATGGTGTTCGCCAGAGCTTAACAAAATCGCTTCCAGAAA
CTGGACTCCGCTCCGGCCCCGCCGACGGGTCCGATCGGCTTTCATGGAGCTTCAACAGCAGCTGGATCACTGCT
TATTCAAGATGGCTCCTGCTGGAATCAAGACCCAGGAGTGGTATGAGTGTAATTCAAGGGGCTTAAATATTTT
CTGCAAAAGATGGTTTCCTGAGCCTGATGTTTATTAAGGCGCTGTCTGTTTCTGCCATGGCTATGGTGATA
CCTGCACTTTCTTCTTTGATGGAATTGCTAGACACATTGCTGCATCAGGGTATGCCGTTTACGCTATGGACTAT
CCTGGTTTTGGACTTTCGGAAGGATTGCACGGTTACATTCTAACTTTGATCAACTAGTTGATGATGTTATAGA
ACAGTACAAGAAGTTTAAAGGGAGACCAGAATTGAAAGGATTGCCTCATTTATAGGTGAGTCCATGGG
GGGGAGCTGTTACTTTGAAAATTCATTGAAGGAACCAAAGCTATGGGATGGAGTGGTCTTGTGGCTCCCAT
GTGTAAAATTGCAAACGATGTGAAACTGCCAGAACCCGTGCTTAAGGTCTTAAATCTAATGTCTAATGTGGTG
CCAAAAGCCAAGCTTCTCCCGAAGATCGATCTTGGTGAAGTCTCAGAGAAATGAAGAAAAGGAAACTG
GCAGTCTACAATGTTATATCGTATGACGACAGGATGAGAGTAAAACTGCCATAGAGCTTTTAAAGGCAACG

>trans_s_355 XM_002881641|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisomal membrane protein, mRNA

>trans_s_356 NM_127514|Arabidopsis thaliana EER5 (ENHANCED ETHYLENE RESPONSE 5) (EER5)
mRNA, complete cds

CAGTACCGTAGAAGAAGAACTTGAAGATTTGCTGCATAGAGGACGGCGGCAATGGCGTACCTGGGCATGGGAGA
GGCTCATAGAAGAATCACTGAGTACTTGAATCGATTTTCGGACTCTGTTTCCTCTCAAGATGGAGTTTCTCTCA
AATCTCTTCTCGCCCTCTCCTCCAATCCCCCAATCTTCTCGCTCTCGCCGACTCTCTCAATGTTTTCAGGATGC
CAATAGATTGATCAGACAATCGGATAGATATTCTCAGTTTGGAGAAATGTTGGTGAATTTCTTTCGTGCGTTGC
AGTGTTACCGTCTTGGGAATTTGGTGGATGCTTATCAAGCTTTTGAAAAATTGCGCAACGCTTTCCTCAGGAA
TTTCGGTCTTGGGATTCAGCTTGGGCGTTGGAAGCATTGTATGTAGTTGCTTACGAGATTAGGATCATAGCAG
AGAGGGCTGACAGAGAGCTGGCTTCGAATGGAAAATCGCCGAAAAGTTGAAAGGAGCTGGCTCATTTCTCA
TGAAAGTGTTTGGGGTCTTGCCGGAAGGCCCTAAACGTGTTGGAGCATTGTATGTCACTTGCCAGTTGTT
CAAGATATACTTTAAGCTTGGTACTGTGCACCTGTGCCGTAGTGTGATAAGGAGCATTGAAACAGCTCGAATA
TTTGACTTTGAGGAGTTTCTAAAAGAGACAGGGTGACCTACATGTATTATACAGGCCGTCTGGAAGTTTTCA
ACGAGAATTTCCCTGCTGCTGATCAAAAGTTATCATACGCCTTGATGCATTGCAACCCTCAAAGAGAATCTAAT
ATAAGGTTTGACTCAGAATGATATTAAGTATCTAATACCTGTGAAGCTTTCTATGGGGATATTACCTACCAAG

TCGCTTCTTGAGAAGTACAACCTTTTTGAGTATGAAAATGTTGTGCAAGCTCTTAAAAGAGGTGATCCTAGGCC
TCTGCGACATGCTCTTCAAGAGCATGAAGATCAGTTCTTAAGATCAGGGGTGTATCTCGTCTTAGAGAAGTTG
GAACTCCAAGTTTACCAAAGATTGGTGAAGAAAATATACTTTATACAAAGGCAAAAGGATCCAAACAAAGCTC
ACCAAATCAAATTAGAAGTAATTGTAAAAGCTTTACAATGGTTGGAAGTAGACATGGACATCGATGAGGTAG
AGTGCATCATGGCCATACTCATAAATAAGAGTCTGGTGAAAAGTTACTTCGCTCACAAGAGCAAAGTTGCAGT
GGTAAGCAAACAAGATCCTTTTCCTCGACTCAATGGAAAACCAAGTTGGTTCATGAAACAATTTTTTTTTTTTTTG
AAGAAAAAGGTTGTTTCTATAGCCCCGAGTTGTAAGAGTGTATCATTTGCTCTGACACCTAATCCAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_357 AY103807|Zea mays PCO130571 mRNA sequence

CGTTCAGTGCAAGGTAGCCTCTGATCTTCCCAAGCTTGTGGAAGGACTTAAACGTCTGGCCAAGTCGGACCCCT
ATGGTCGTGTGTACCATGGAGGAATCTGGTGAGCACATTGTTGCTGGTGCTGGAGAACTACATCTTGAGATCT
GTTTGAAGGATTACAAGAGGATTTTCATGGGTGGAGCTGAGATCATAAAATCTGACCCTGTTGTCTCTTTCCGT
GAAACCGTACTTGAGAGGTCATGTCGCACAGTGATGAGCAAATCCCCTAACAAACACAATCGACTGTACATGG
AAGCACGACCCATGGAGGATGGACTGGCAGAGGCTATTGATGATGGCCGCATTGGACCACGAGATGATCCTA
AAGTTAGGTCTAAAATTTTGTCTAGAGGAGTTTGTTGGGACAAAGATCTTGCTAAGAAGATTTGGTGCTTTGG
TCCTGAGACTACTGGCCCTAACATGGTGGTCAGCATGTGTAAGGGAGTTCAATACTTGAATGAAATCAAGGAT
TCCGTCGTTGCTGGTTTCCAGTGGGCGTCGAAAGAAGGTGCATTGGCGGAAGAGAACATGAGAGGCATCTGT
TTTGAAGTTTGTGATGTGGTGCTTCACGCTGATGCCATCCACAGAGGAGGTGGTCAAGTCATTCTACTGCTA
GAAGGGTAATCTACGCTTCTCAGCTGACTGCCAAACCAAGACTTCTTGAGCCAGTGACCTAGTGGAGATTCA
GGCTCCCGAGCAAGCTCTTGGTGGTATCTACAGTGTTCTTAACCAAAAGCGTGGGCACGTCTTTGAGGAAATG
CAGAGGCCTGGCACACCTCTTTACAACATCAAGGCATATCTCCCTGTCATCGAATCATTTGGATTCTCGAGCAC
TTTGAGAGCTGCAACTTCTGGACAGGCATTCCCACAGTGTGTGTTTGACCATTGGGAAATGATGTCTTCAGAT
CCATTAGAAAGTGGGTCTCAAGCTGCGCAGTTGGTTGCTGATATCAGGAAGAGGAAGGGATTGAAGGAGCA
GATGACTCCATTGTCTGAGTTCGAAGACAAGCTATAAAGCAGTCATTTTGTTGAATTTTCATGCACCACACAAC
CTTGTAATTCTGAAGCGAAGAGGTTCTAATTAGTTTCATATTTTATCCTATCATATAGGAAGAAAAGCCTAT
CTTTTGGAAAAAGTTTTTTTTTTTTTCAATTTTCAACTGTTATTTTATTTTCGTTTTGAGTTTGTATGGACAAC
CAAGATATATTCTGTTGAAATATGTTATGTGGGTCAAATGTTCTGAACTTGTTATTGGTCTTAAAAATTATCAT
GTTTTTAAGATCATCTTTAAGTAATCACATTGAAATTAGAATAAACTTTTACAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_358 NM_180380|Arabidopsis thaliana UBP1 interacting protein 2a (UBA2a) (UBA2A)
mRNA, complete cds

ACTTCGGTGCCGCATCGTACCCACTTCCCCCCTTTGCTTCTCTGTCTCTCCAAAACCCTAGACCTCCTCTGAGC
TTCCTCTACTCCTTCCATGGCTAGAAAGCGAAAGCTCGATTCTTCCAAAACCTCCGAGTCCACCGAGCCTCCCA
AGAAGCTTCAGCAACAACCTCAAGCTTCCCTCGACGAGGCCAAACCACAAGATGAACCCCTCAAGGAAGTCGT
TCCTCAAGATCTACCTCACGACGATGTCGTCGAGGAAGAAGACGATGACGACAACGACAACGACAACGACAA
CGAAAACGAAAACGACGACGACAACGATGAGGAGGAAGAGGAGGATGACGATGAAGATGAGGACGAGGAT
GATGAAGGCGATGCGAATGTTAATAACCCATCCGACCCCAAGGTTTCGTCTTCTCGGCCGCTGTTGCAA
CTACTGACGACGACGATGAACCCATTACAAGCTCTTGAGCCTTTTAGTAAGGACCAGCTTATTAATTTGCTT
CGTGAAGCGGCGGATAAGCACGTGGATGTGGCTGGAAGGATTGCAATGGTTGCTGATGCGGACCCGTCTCAT
CGGAAGATTTTTGTTACGGGCTTGGTTGGGATACAAATGCTGAACTTTGATTAATGTGTTAAGCAATTTG
GCGAGATTGAGGATTGCAAAGCTGTGTGTGATAAGGTCTCTGGTAAGTCCAAGTGTTACGGATTATCCTCTT
CAAGAAGCGGAGTGGGGCTCGAAAAGCCCTGAAGGAACCCAGAAAGATTGGGAATAGGATGACTGCTT

GCCAGTTAGCTTCGGTTGGGCTGTTCCAACGGCCAATGCGGTGGCAGCTCCTCAAGCACCACTGCTTCAGA
ATATACGCAGAGAAAGATTTATGTGAGCAATGTTGGAGCTGATGTAGACCCCCAAAAGTTGCTTGCTTTCTTT
CCCAGTTCCGTGAAGTTGATGAAGGACCTTTGGGACTTGACAAGATGACGGGTAAAGCCTAAAGGTTTCTGTCT
ATTTGTGTACAAGTCGATAGAAAGTGCTAAGAAGGCTTTGGAGGAGCCTCACAAGAACTTTGAGGGTCATGT
CTTGCAATTGTCAGAAGGCCATCGACGGTCCCAAGCCAGGGAAGGCTCAGCACCAGCATCATACACCAAATGCT
CCGTTCCAGAGGAATAAGAATCCTAATTATGCAGGTGGGGCGGCTTCTGGATCGGGGCACTTGATGGCACCT
GCAGGGCCTGGTGTGGTTACAACCAAGGACCTCCTCAAGGATTGAACCCAGCTATTGGTCAGGCGCTGACT
GCTTTGCTGGCAGGTCAGGGTGCTGGGTTGGGACTACTAATTTGTTAGGGGACACTTGGAAGTGCAGGGCTG
AATCCAGCTGTTCAAGGGGCGGGACCTGGTGT

>trans_s_359 AB442084|Glycine max mRNA for peroxisomal biogenesis factor 11 family protein,
complete cds

GAAACGCGGGGTTAACGTCGTCCTACCAACCAAACCATGCGCCATTTTGGAGGAGGAGAAGAAAAGACAAC
GAATCGCTGACGCTTTCTACTTTCCACGAATACAATCAAATCCCAATCTCTTTTCTTCAATTCAACAAGAATA
AGGTGTTTAATAGATAAACATTGTGTTTCTCCTAATTGCAAATCCGAGGCTCTTTTCTTCCATCTCTACCTT
TCTCTATCATCGGATTCAACTGGGTTTGCTTGCTTGCCGCTTTCTTTGCTCAAACGGACTCACTTGATTCTG
GGTTTCTAATTAGGTGTGGGTAGCTTTAAAGATGAGTAAGCTGGATGCGACCAGAGCAGAACTTGCTCTTCT
AGTTCTGTACTTGAATAAAGCAGAAGCCAGAGACAAAATATGTAGAGCTATACAGTATGGTTCCAAATTCCTG
AGTAATGGTGAGCCTGGCACAGCACAAAATGTTGACAAAATACCAGCTTAGCTCGAAAAGTTTTTCGTCTTTT
CAAGTTTGTCAATGATCTGCATGGCCTTATTAGTCCAGTTCCTCAAGGAACTCCCCTTCTTATTCTTCTGGG
AAAGTCCAAAATGCTTTGCTATCGACTTTTCTATTCTTGACCAAATTGTTGGCTTGGTAGAACAGGCATCTA
CAAGAATAAGGAACGTACTGAACGTATTGGAAGGATTTCTCTGTTTTGTTGGTTGGGTGCTTCATTCTGCACG
GTGTTAGTTGAGATTGGAGAGATCGCTAGGCTATCTGCTGCAATTAAGAAACAAGAGAAAAGACCTTAAGGAT
AAGAATATCAATCAACACCAAGTGTGTTATCATCAAGACGAGAAATACCGTGCAAATCTTAAAAAACAATG
AAAGGTCCCTGGCCCTGGTGAAAGCATCCATGGATTATTGGTTGCTGTTGGGCTACTTCAGTTGGCACCGAA
GAAAGTTACACCCGTGTCACAGGTGCTCTCGGATTTGTTAGTTCACTGATCTCTTGCTATCAGTTGCTTCTCC
GGCATCGAAAGCAAAGGCATCATGAAGAAGGAAAGTGAATCCAGGGGAGTAGAGGAATAAATAAGGAG
TTGAATTTGTGTGTTTTTAAAGTAGTTTGGAGGGCGATTAGAAGGGGTAGGGTGACCCTGAAATGTTTGTTG
GATGAAATAAGTATTAGATGCTTCAAATTCATTCATGTTATGTTAGCATGTTTTATTGACAATATGCCCGCT
CTCTCTGCAGACTATTTCAATTTATTTTCCCATCACTACTCTACAAAATCCTCTCTGATGCATTAGATCGAG
TGTGTTGGATACATAAATATTTTCAAAATCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACGAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_360 BT011963|Arabidopsis thaliana At3g53940 mRNA sequence

CTCTTTAAACGGATGTGAGATTAAGATCACACCCATTGTTCTCCAGCTTCCAGGACGGTTTTGAAAAAAATA
TCTGCAAATGAATATGGAAGCTCGAGTTGGTGTAGTGGTGAAGGAGGACAGCAGGCTCTTAATTCTGCTCA
CGCTCACGACGGCGGGGCCAGGAAATATTTTACCAACAAGGCCAGAACAAACCCTCCTTGAACCAGCAACC
GCAGATTGGCACAGTGCAGCAGCTTTTAGCCGGTGGTATTGCCGGTGCCTTTAGCAAGACATGTACCGCCCCT
CTTGCTCGCCTTACTATCCTCTTTCAGGTCCAAGGTATGCACTCTGATATTGCTTCAATGAAGAAAGCCAGCATT
TGGCGTGAAGCTTCACGTATCATCAATGAAGAGGGATTCCGGGCATTTTGGAAAGGCAATCTGGTCACAATAC
TTCACCGACTACCTTATTCGTCTGTCAATTTCTATGCTTATGAACAATACAAGAAGTTTCTGCACTCATTGGTTA
GGGAAAGATTCCAGGGCAATGCCAGCGCAGATCTTCTTGTCATTTTTTTGGTGGTGGTTTGGCTGGAATAAC
ATCTGCCTCTGTTACATACCCACTGGACCTCGTTAGAACCAGACTAGCAGCACAGACAAATACCATTTACTACA
GAGGCATTTGGCATGCATTCCATACCATTTGCCGAGAAGAAGTTTCTTAGGCATGTATAAAGGGCTTGGAGC

AACCTTGTTGGGTGTTGGACCAAGCATAGCCATCAGCTTTTCAGTGTATGAAAGCTTGAGATCATTCTGGCAAT
CTCGAAGGCCTAACGACTCCTCTGTTATGGTCAGTCTTGCTGCGGTAGTCTTTCAGGCATAGCATCATCAACA
GTAACATTCCCTTTGGATCTTGTGAGAAGAAGAAAGCAATTGGAAGGTGCTGCCGGTCAGGCCCGTGTGTATA
ACACTGGCCTATATGGAACATTTAAACACATTGTGAAGACAGAAGGTTTTAAAGGTTTGTACCGAGGGATTCT
ACCGGAGTACTACAAGGTCGTCCCAAGTGAGGCATTGTCTTCATGACGTACGAGACTCTAAAAACAGTTCTA
TCACAAATTTCTTCCCGTTCATAGCTGCTCATAAACGTTGGATTCTTCCATTTAAGTGCTTATTTTGAGTCACTGT
ATTTATTTCCAGCTAGTAGTCGTAGACATAGGTTACTGGTGACTAGAATATCCTAGAGCGTCAATTCTTTTTTCC
TTTTTATCCTTTAGAAATTTTGTGGCAGTAAATTTTTTGCTCGTTACTGCCAGGAACTAGATTTTTTATCTTGTAC
AGGAAAAGTTTAAACCAATGACATTCCGGATACCATTTAAAGCTTGAAGAGCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_361 EU308590|Gossypium hirsutum 24-sterol C-methyltransferase (SMT2-2) mRNA,
complete cds

GGCTTTATATTCTTCACAAAACTTCCTCTTCCCTTTCTCACACTACTAATGGATTCTCTCCCCTTATTCCTCACCG
GGACTCTCCTCGCTGCCGGCCTTTACTGGTCTTCTTCATCTATGGCTCCGCCGAACGCCAAGGCCAACTTGCC
GTCAACCTCTCCGGCGGCTCTATCTCCTCCGAGAAAATCCAAGACAAGTACAAACAATACTGGTCCTTCTTCCG
CCGCCCTGAGAAGATTGAAACCACCGAAAAAGTCCCCGATTATGTCGATACCTTTTACAACTTAGTCACTGATA
TTTACGAGTGGGGTTGGGGACAATCCTTCCACTTCGCACGTCCCATTCCTGGAAAGTCTTACAAAGAAGCCAC
CCGTCTCCACGAAGAAATGGTCGCCGATCTAGTCAAAGCTAAACCCGGCGATCGGATCCTCGATGTCGGATGC
GGCGTCGGTGGTCCGATGCGATCCATCGCTGCTCATTCCAAAGCCAATGTAGTCGGAATCACGATCAACGATT
ACCAAGTCCAACGTGCTAGATTACACAACAGAAAAGCTGGATTAGACTCGCTGTGTGAAGTGGTATGTGGAA
ACTTCTTAGAAATGCCCTTTTCCGATGAAACCTTCAATGGGGCTTACGCTATTGAAGCAACGTGTCACGCGCCG
AAGCTTGAAGATGTATACTCTGAAATTTACAGAGTGCTGAAACCCGGTTCGTTATTTCGTATCGTTAGAATGGG
TTTCTACCGATAAATACGATACCTCAAACCCAGAGCATGTGAAGATCATTGAAGAGATTGCAAGAGGGAATGC
TTTACCTGGGGTCAAATCGTACAGTGACGTTGCGAAATCGGCCAAGAAAGTAGGTTTTGAGGTTTTGAAAGA
GGAGGATCTGGCCAAACCGCCGGCGCTGCCGTGGTGGGAGAGGTTGAAAATGGGGCGGGTTGCGTACTGGA
GGAATCATATACTGGTGACGATTCTGGCTACGTTGAGAATCGCTCCGAAAGGAACTCTGGATGTTTCATGAAAT
GTTGGTGGAAAGCAGCTGATTATTTGACTCGAAGCGGCGATGCTGGAATATTCTCGCCTATGCATTTGATCGTT
TGCCGAAAACCGGAATCCCCTAAACTTGTTAGAAGAGTTGTCAATCAGGGCCTCTCCGGTACGGCGCTTTTC
TCACATCTTTTCTTTTCTGTTTCTGTTTCATTATTTTACTATTACTTCTTGTTTTCGTCCTCGTCTTCGGCT
AATATTAGTTTTTTTTTTTTTTTGTTCCTTCATGTAATTGGAATTATTATTTATAAAGAAAAAGAGAAAAAAA
TGGGTTTTTTGTTTATTATATCTAGAAAAAAATAAAATATTTTAAATTTCGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_362 FJ438462|Populus trichocarpa ubiquitin mRNA, complete cds

ATTCAGTTTTCTCTATTCTTCTCTATACGTCATATTCATTTCTTCCAAGATGCAAATCTTCGTTAAAACCCTAA
CCGGTAAGACAATCACCTTGAGGTTGAGTCGTCTGATACGATCGACAACGTCAAGGCCAAGATCCAGGACA
AGGAAGGGATTCCCCCGGATCAGCAACGTCTCATCTTCGCCGGTAAACAACCTCGAGGATGGCCGTACCTGGC
CGACTACAACATCCAGAAGGAGTCCACCTCCACCTTGTCCTCCGTCTTCGTGGTGGCATGCAGATTTTCGTGA
AGACCTGACCGGAAAGACCATCACCTTGAGGTTGAGTCGTCTGACACCATTGACAACGTGAAGGCCAAGA
TCCAGGACAAAGAAGGCATTCCCCCAGACCAACAGCGTCTTATCTTCGCTGGAAAGCAACTCGAGGATGGCC
GCACTTTGGCCGACTACAACATCCAGAAGGAGTCTACCTCCACTTGGTCCTCCGTCTTCGTGGTGGTATGCAA
ATTTTCGTTAAGACCCTGACGGGTAAAACCATCACCTCGAGGTCGAATCCTCTGATACCATCGATAACGTCAA
GGCAAAGATCCAGGACAAGGAGGAATTCCCCCAGACCAACAAAGACTCATCTTGCTGGTAAGCAATTAGA

>trans_s_363 AB070626|Cucurbita sp. cv. Kurokawa Amakuri pAPX mRNA for peroxisomal ascorbate peroxidase, complete cds

>trans_s_364 DQ914796|Cucumis melo xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 3 (XTH3)
mRNA, complete cds

GATCCTTTTCATTCAATCACAAATGGCTTCCCCTATTATGTTTCTCACTCTTCTTTTCTCTGCAGCTTCCCTAATTGC
CATCTCTTCGGCTAACTTCAACCAAGATTTTCAAATCACTTGGGGAGATGGTCGAGCCAAGATTCTCAACAATG
GTGAACTTCTAACTCTGCCCCTTGACAAGGCCTCTGGCTCTGGCTTCCAGTCTCAAAACGAATACTTGTTTGA
AAGATCGATATGCAACTCAAGCTTGTGGCTGGCAATTCTGCTGGCACTGTCACTGCTTATTATTTGTCTTCTAA
AGGATCTACATGGGATGAGATTGACTTTGAGTTCCTGGGGAATTTGACTGGTGATCCTTACACTCTTCATACCA
ATGTGTTTAGCCAAGGCAAAGGCAATAGAGAACAACAGTTCATCTTTGGTTTGACCCCACTGCTGATTCCAC
ACCTATTCCATTCTTTGGAACCCCAATCGTATTATATTTTCTGTGGACGGAACCTCCGATAAGAGAATTCAAGAA

CTGGAATCGAACGGCGTGCCATTTCCCAAGGACCAGCCAATGAGAATATACTCGAGCTTATGGAACGCGGA
CGATTGGGCAACGAGAGGAGGGCTGGTGAAGACGGACCGGACAAAGGCTCCTTCACTGCTTCCTACAAAAA
CTTCAAAGCCGAAGCCTGCGTTTTATCCGGGGGGCAATCTTCTTGAGCCCTCGGCGCCGGCGGGGTCAAG
GAACTCATGGCTGTCCGAAGAGATGGACTCTGTAAGTCAGGAGAGACTAAAATGGGTGCAAAAGAACTATAT
GATTTACAACATTGTACGGACACCAAGAGGTTTCTCAGGGCCTCCCTACAGAATGCAAGTTACCATAGTCAT
AGGGACCAACAACAACACAGGGCTACACTACTCTTCTATTATTTGCCTTTTGGGTTTCTCTACATTTTATTT
TATTGATTTTTTTTTTCTTTGGTTATGACTTTATGTAATGTAATGTGTGTTTGGTATGATTTATTTATATATA
ACTAAGTTTCTTAGTTAGTTAATGAAGGTGGTGTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACC
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTTCAACCCCCCCCCCCCCG
GGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCTCCCCCAAAGGGGGGTAAAAATCCCCCCCCCGGGCCCCTTTTTAAACC
CGCGGGGGGGGAAACCCCGGGGTCCCCCATTTTTCCCCTTGGAACCAACCCCCCTTTCCCGGGGGGG
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_365 AF095730|Glycine max retroelement diaspora gag-pol polyprotein (gag-pol)
pseudogene, partial sequence

AGAGAAAGAAAAGAAGAGAACCTCAACAACGAAAGTTCATATTGGTGATGCTTCTAAAATCAATCTGATTTG
AATGTTTACAAGCCTGTAGCTCCCTTTCCAGAAAGACTTCTCGTTCTGTGAGAAGAACTGAAAAAAAAAAGA
AAAAAACTAAAAACCTTGGGAGCAGTAAGTGCTAGCTTATCTGAAAAGGGCTCAGAGTAGTGGGTGAGAAA
TAATGAATTGATTACGGTGGAAAAGAAATCTTGTCTGTACCAGGTACCTTTCCAGTTAAATACGATGATCCAT
GTATGTTTTACGCATTGCAACGTGGGTAATGGTAAGTTAGTTAATGCCTTTGACCGACTTAGGTGCTTCAGTGA
ATATCATGTCAGTTTCTCTTTTATGAGCTTAGACTGTAAATTTGTCTACTTCTGGAATTGTTGTGCAATTGG
CTGAACGGTAGTCTTACTAAACCATTAGGGGTGTGAAGGACGTGTCTGTGAATGTTGATGGTATAATCTTAC
CCACCGAATTTTATGTTCTGAATTGTAATCAAAACACTTCTCCTCATGGAACCTCTGTTATATATATTAGGTTGA
CCTTCCATAAAAATACTAGAGCTAAGATTGATGTAGGAGAAGGGTCTCTATCTGTGGAGTTGATGGGATAA
TTAAAAGCTTCCCTGTTCAAGGATGATAGTCTTCCCTAACCCCTTGCTTCTAATATTGATTTTGCCTCAAGTTG
ATGGTGAGGCAAGGATTTTAATGATGGATGGAAGGGAGGAGCCAATCAACTCCGAGCCAGGTTGATCAAGC
AAAATACGGTTGAAACCTTAAGTAAGTTAGGCGTTAATGGCTTATATGGGAAAATTTCTTTGCAGTGATGTA
TCTTTTAGGCTGAAGCTCGATGCATGCTCAACTCTTTTTAGCACTCCTAACTCAGGGGAGTTTCTTTATTCC
CCTTTAATCTTTCCCACTCTTGATTTTTACTTTTATACATTGGGAACGAGGTATGTTTTGAAAGTTGGGGTGG
TTGGGTTTAGCTTGCATATCTGGTGGTCCTTAAGCATTTCAGCTCGAACTTGTGTGCTTTGCTTGCTTTTTTGT
TTGTTGCTTGCTCGTTATTAAGACTGTTGATGATACTCATTTAGGATCTTGCATGTATGATGGTTGTTGTCAC
CCGAAAGACCTTCTAAACATCAATTTATTAATGCGTGCATAAGGAATACTAACAATTTTCCACTTGTCTG
GAAAAAGAAAAGAAGAAAAGGGGAAGAGAGAGAGAGAGAAAAAGAAAGCAATAAAAGTGATTTAAATA
AAAAAGGAGTGTGAGAGAATAAATGGTGGTTTGTCTGCTTTGTTGGGGATGAATTGAGTAGATATAATTCTC
GTAGCGCCGCT

>trans_s_366 HM122462|Malus x domestica BZIP domain class transcription factor (BZIP1) mRNA,
complete cds

AACATGAAAAGAAATTGTCATCGTTGCAGAGTCAGGAATACAAGGGGGAGGATGAAAGCAAGCTAGATAAG
ACGAAAGCTGCTATACTAGACTGCAGTCACTAATTATTGTACATCCCAAGCTGTCAATACAACCTTCTACTGC
CATAGTTGGACTAAGAAATTCGGATCTCATTCTCAGCTTGTGAACTTTGCCATGGGCTAATGTACATGTGGA
GATCAATGCACCAATACCATGACATCCAGAATAACATTGTGCAACAGGTTGAGGTCTTGTTAACCAACAAG
TCACGGTGACTCAACTTCTGAATTGCACCGTCAGGCAACCCGTGATCTCGAATCCATGGTCACAGCTTGGCACT

CCAGTTTTGTCGCTTGATTAAGTTCCATCGTGACTTTATCCGATCCCTCCACGGTTGGCTTAAACTCTCCTATAT
TCCAGTCAACAACGACGGCTTACCTGACAACAAGGAACCTGCTGAGATATTTCTTGATCAGTGGAAGCTTGCT
CTGGATCGTGTCCTGACACGGTTGCTTCCGTGGCGATCAAAAGTTTCATCAATGTTGTTAATGTGATATCTGC
AAAACAAACTGAAGAGATTAAGATTAAAAAACGAACCGAATCAGCATCAAAGGAGTTTGAGAAAAAATCTGC
ATCAATCATGAACTTAGAGAAAAAGTTTTACAACCTTACTCCATGGTTGGCATAGGACTTCCAGACACTGGAC
CGGCCGACAATGGCCATATATTAGATGCTCGGGATCCTCTAGCCGAGAAAAAATCGAGCTCGTCGCTTGCCA
AAGACGAGTCGAAGAGGAGAAGATAAAGCATTCCAAAGCAGTAGAAGTTACAAGAGCAATGACACTTAAAA
ATCTTCAAACCTGGATTGCCTGGGGTTTTCCAAGCCCTGACTAGCTTCTCGGCCTTGTTACGGAGGCGCTCGAG
TCGGTTTGTACTCACTCCTATTCTATCAAATAGACACTATGTTCCCCCATGTGGTCTTTCCTTTTTCTTTTTG
GTTGCAGAAAGAATGGAGTTGGGTTGGGACAAGGCTGGAGGAATTTCTTTAGATGAGGGGAGAAGGATAT
TATCCTTATTGGTAAGTAATTATAGTAATACATTTTGGGGAATTTTATTAATCTGTAAATATTTGGAATTTTGC
ACTCTGATCCTTTTAAATTTTTATTTCTTTTTCTTTTCCCCATTGTTTGTGGGGTTAAACAAAAAATATTTG
CCTGTATAGGAAATTGCTTGGATTGTTGTATCAAATTCACATTTTCAGCCATATTAATAAATACAAAGCATCTTG
CTTTTCTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_367 NM_179846|Arabidopsis thaliana CNX2 (COFACTOR OF NITRATE REDUCTASE AND
XANTHINE DEHYDROGENASE 2); catalytic (CNX2) mRNA, complete cds

AAGGAATCGAACCGAAATGAGCGGTCGATCACGTGCGTTTCCGTGCTCCTTCTCCGGCTCAGCTTCCGGATTC
AATTGAATCACCATCGTCTTCTTTAACCTCCTTAATCGGAAGAATACTGCTACAGATTCCATTATCTTCTCTTCT
GGCCATTTCTATCTGTTTCTTTTCATACATACTCGTTGTTGATGGCTTTGGCGACTAATATGAGAAGAAATGCA
TGCTCTGTCACCAATTGGCTCGTAGCGTCTGGAAAATTAATTTCTATCGGTGGGATCTGAACATGCATCTTA
CTCCATCATCAGAAAACTAATGGTCTTAGAATCTTTGGGGATCAACGGGAGGCTTCAAGAACGTATGCTACT
TCTTGTGCTAAGCTGTGCGATGAAATCCAGAAAGAGAATTCAGACTCTAATATGTTGGTTGATTCAATTTGGAA
GGATGCACACTTACTTAAGGATATCATTGACAGAACGGTGCAACTTGCGATGTCAGTACTGTATGCCTGCAGA
AGGTGTAGACCTCACTTCCACCCCGAAGCTTCTTACTCGGAATGAAATTATGCGATTGGCTAATCTTTTTGTAA
GCTCTGGTGTAAATAAAATTCGCTTGACTGGTGGGGAGCCTACCATTAGGAAAGATATTGAGGATATATGTTT
AGAGCTGTCTAATTTAAAAGGTTTGAAGACATTGGCTATGACCACGAATGGAATAGTTCTTGCAAGAAAACCTT
CCCAAGCTTAAAGAATGTGGGCTTTCAGCTATTAATATTAGTTTGGATACATTGGTGCCAGCAAAGTTTGAATT
CATGACCCGGCGCAAGGGGCATGAAAAGGTTATGGAATCTATCAATGCTGCAGTAGACCTTGGTTACAATCCT
GTTAAAGTGAACCTGTGTTATAATGCGTGGCTTCAATGATGATGAGATTTGCAATTTTGTGAGTTGACTCGTGA
GAAACCAATTAATATTCGATTCAATTGAGTTTATGCCCTTTGATGGAAATGTTTGAATGTTAAGAAACTGGTAC
CCTACTCAGAAATTTTGCAAACAGTGGTAAGACTAAAACTTCGTGAACCTCACACGACTGGGAGATCATCCT
ACAGAGACAGCAAAAAATTTCAAGGATAGATGGGCACCGAGGTACAGTTTCGTTTATCACATCAATGACAGAG
CATTTTTGTGCTGGTTGCGACAGATTGCGACTTTTAGCAGATGGAACTTCAAAGTCTGCTTGTTTGGTCCCTC
GGAGGTTAGCTTGAGAGACCCACTTCGTCAAGGTGCTGATGATAACGAGCTAAGGGAAATAATTCATGCAGC
GGTAAGAAGAAAGAAAGCTTCACATGCCGGAATGTTGATATTGCAAAGACTGCAAACAGACCCATGATACA
TATTGGTGGCTAGTCT

>trans_s_368 NM_001050904|Oryza sativa Japonica Group Os01g0769000 (Os01g0769000)
mRNA, complete cds

CATCAGGGTTATGAGACCAATAGTTTTAGGAATGAATTTGGGTGGCCTTTCTATAGATCCAAGTATATGACAG
CTGATGAATTAGAGAATATTGTTAGAATGCAGCTCGCAGCAACACATAGTAACGATCCATATGTAGATGACTA
CTATCACCAGGCTTGTCTTTCAAGGAAATCTGCAGGTGCAAATTGAGGCATCATTTTTGTCTAATCAACTAA

GGGATCTTCCACCACGTGCCCCGGGCCAATAATGAGCCACATGCTTTCCTTCAGGTTGAAGCACTTGGTAGGGT
TCCATTTTCATCAATTCGTAGACCTCGACCTCTTCTGGAAGTTGATCCACCAAGTTCATCTGTTGGTGGAAGCG
CTGATCAAAAAGTTTCTGAGAAGCCCCCTTGAACAGGAGCCTATGCTGGCAGCTAGAGTTACAATTGAGGATG
GTCATTGTCTACTTCTTGATGTGGATGATATTGATCGTTTCCTGCAATTCAATCAGTTCCAAGACGGTGGCGCT
CAATTA AAAAGACGTCGCCAGGTCTTGTTGGAAGGACTGGCATCATATTTACATCATTGATCCACTCAGTAA
AGATGGTCATGCTGTTGGGCTGGCTCCTAAAGATGATTTTGTTTTCTTGAGGTTGGTTTCTCTTCCCAAGGGTC
TAAAGCTTCTAACGAAGTACCTTAAGCTGCTTGTCAGGAGGTGAGCTTATGCGCATAGTTTGTATGGCCAT
TTTCCGTCACCTTAAGATTCTTGTTGGTAGTGTTCTTCTGATCCCGCATCAGCAGACTCCGTTAGTGAACCTTGC
AAGAATTGTTTCATTGCGAATCTATTCTATGGATCTTGGAGCTATAAGTGCATGTCTTGCTGCCGTAGTTTGTTT
CCCAGAGCAACCTCCACTTCGCCCTCTGGGGTCCCCTGCTGGAGATGGCGCGTCTTGATTTTGAATCTTGTC
TCGAGAGAGCTACACTACTCTTAACCGATCCTAATGCTGCGTGCAACTATAACCTTACCCACCGATCTCTCTGG
CAGGCTTCTTTTGATGATTTTTTCAACATTCTTACAAAGTATTGTGTGAACAAGTATGACACTATCATGCAATCA
CTAGTCAGACACTCTCCACAGAATGCAGCAGCAGCAGCCTCAGATGCTGCTGCTGCCATGAGTCGAGAAATGC
CAGTTGAAGTATTACGTGCAAGTCTGCCCCACACCGATGGTTACCAGAAGAAAATGTTGTTAAATTTTGCCCA
ACGCTCGATGCCTGTTGGTGGATTACCAACAGTGTGGCCGAGCAAAGTGTGACCGAGCTCAGTGGCGGTGA
TAGCGACACCTTATGATCAGGAGGAGTAAGAGCACGTGGCTCTTTATACAATCACAATGAAGAAGCCTGCAA
ATAATCTCATCGT

>trans_s_369 FJ032298|*Baccaurea ramiflora* genomic sequence

AAAATCGATCTTTTGGTAAAAACAAAATTGAAACAATGTAGAGGTTTTCTTTTCTCGGTGATGATGAAAAAAT
GATGACGAGTCCGATCTCTAATCCATTACCCCTGACGACAAAACGAGGCATTTGTCTGAGAGAAATCAAACC
TCTTTTCTCGTGTTTTCTTCGTTTTCTCAATATTTGTCCGCTATTTTGTTCTCGCAATAATATATTCTTTACGA
TTATGAAGGATCTTCTGCATGAAAACCTCTGAAGGAAGATTGAAATACTAGTTAGGAGTGAATAGGGACTCT
GGATAACAGTGTGAGTAATCAACATAACTTCATGAAGAATAGTGTATTAACTAAATAATCTTTTCAAGACGC
TAATTAATTTACAAAACGAGTCTTTGCCTATCGTTTTGTTGAGCCATTTTCTCAAATTTGGGCCTTCGGCCCA
CTATGAGAAGGGCAATTTCTGCTTTCAAAGAATCAGGAGGATTAGCCCTAAGCTTTATTCTCCACCTATAAATA
TGAAATATCTGAGCCTGAAACGAAGGAGAAATAATCTCACCGTCTTCGTCGTTTCATATTTTTATTTTAATT
TTAATTTAAGTTTGTAATTATTCAGTTATGTGGAGGTGTTTTCTCTGTGATGATGAAAAACGATGACGAGTCT
GATCTCTAATCCATTACCCCTTGATGACAAAACGAGGCATTTGTCTGAGAGAAATCAACACCCCTTTTTCTATC
GTTTTTTTTCTTTGCGATATTTTTTAGGGTTTTGAGGTTTTGGATGAACGTTTTCTTACCTTTGCAATATATA
CTCTTCGTTATATATGAACAAGTGCGGCGATGATGAGAAAGTAGACTCAGATTCAATCGAAACTGAGATTGT
TTCTGTGATTATTTTCAAGCACTTTGAGCCGTTTCTGATATTTAATTTCCGTAAAGACTTGGTTCTTTTGAGTT
GATAAGTTACGCGACGCCTATTTTTGTTATTTTTGGCGATATTACAAATTTGTTCTTTTTTTTTTTTTAATTATT
GGGTTTCTTTGGTGTGGATTGGCTGATGAAAAGTCTTTCTTTTACCAAGTTGTTAGTCTTCAGGTTGAGACCT
TGTGGTTACAGAAGTTGGTAACAGAACTTTTTACGTATTATAGCTGAGAAGTGCTTTGTAAAGAGTAGGTCC
ATGAGATCACCGTACGAGATTTTAGCTTGAATGGCATTGTAGAGAGGAGCATTGTGAATTGCGGAAATGAT
TCTACTGTAATTTGTTGTTCAATTGGTGGGGCTGTAAATTCGTGTTCTTTCTTCTCATGTCTAGTATATAACAT
TTTGAAATTCAAACCAACTAATGCCTATTGCACTGTGTTTATAAGCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_370 AY004240|Glycine max phosphoglycerate mutase-like protein (PGM) mRNA,
complete cds

TACACGACTCTCTTCGCTTCCTTCTCTCTGAGAGCCTCTTCGCGATCTTCTTCTCTCTATTCTTTGCTCTTTT
CTCGCTCTTCGGATATGGACGGTTCGGCAGGTCTAGGTTTGATCCATCGCACCGTACTAAACTATTCAATTTG
GTGAGGCATGCCAGGGATTTCATAATGTGGCAGGAGAAAAGGACGTGAACGAATATCTATCTTTTGATTACT

TTGATGCTCAACTTACTTCATTAGGATGGAAACAGGTTGACAATTTGCGGAAACATGTACAATCATGTGGACTT
TCCAAGAGAATTGAGTTAGTCATCACATCACCGTTGTTTCAGGACTATGGAAACCGCAGTTGGAACATTCGGTG
GTGAAGGTTACTCGGATGGTATAAATGTTCTCCATTAATGATAGAAAATGCAGGAGATTGCAACCGCCCCAGC
AATTTCAAGTTTGAATTGCCACCATTTTTGGCCGTAGAGCTTTGTCGGGAACATTTGGGCGTTCATCCATGTG
ACAAGAGGCGAAGTATTAACGAGTACCGGTCTCTTTCCCTGCTATTGATTTTTACTGATTGAACACGATGAA
GATATCCTGTGGAAGCCTGACATCAGAGAAACCAACGCTGAAGTTGCAGAAAGGGGAATGAAATTTCTTAAA
TGGCTCTGGACCAGGAAGGAGAAGGAGATTGCAGTTGTTAGCCACAGCGGATTCTTATTTTCATGCATTGAGT
GCATTTGGAAAGGACTGCCATCCATCTATAAAGGATGAAATCTGCAAACATTTTGCCAATTGTGAGCTACGTTT
CTTTGTTCTTGTGATAGGAGCATGATTGGGTGAGAATCCTCGGCGACCAATTTTCCGGGCGGAGTACCAAAA
GGAGTTGATCTTCTAGTGATGTTGCAGCTGACAAGCTTCCGGGGAAGGGATTTTCAATTGATCAAGATGTGG
TTTGAAGAAGAAGATATCGCATTGCATCATTTCTAGAAACAAAGACTTATCGTTTTTTTTCTTTCTCCCTAGGG
GAGAGCTTTGTTGCTATAACAAAGTTTCTCGTAATTCAATATTCATGAATTTCTTTACTCACGACATTTAGGAG
AACCGTTGTCTATGGAGATTGTTAAAGCCTCTTTATGCAAAATGGTTTAGAGGTACATGTTTTGTCTGTATCTC
ATCCATTAGTTGCCTTGACGCCCACTTTTATACCATTTGTTATATGATAATATGAAAGAATCCTTTTTCTNAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGACCTCGACAATCTAAAAGATACCGT
AAACCTCAAAGCTCGGGGGGGGGCCCGATTCCCCCTTACCCAATCGTGTTACGCATTCCCCCTGCTCACTGTT
TTACATTTT

>trans_s_371 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CGGGGGGGGGGGTTATTCGGCTCCCTTTGGGGGAAATGGGGTCCGGGCCCCCCTTGGGGTTGGCGGGAT
TGGTTAAGTTTTGGGGGCGGGGGGGCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGGAAAAAATGAGG
TGGAAGAATTTTTCCCTAAAAATAAATTCCTTAGCCTTTTTTTTTTTTTTAATTTTTTTGGTCCGTTATAAT
AAAGTTTCTGGTTAATTTGAAATCCCCATTATTTTCTTGGTTAAGAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTA
ATAAAATCTAGCAATCCTTTTTTGAAAATTCAGATAGGTATACAAAAGTCTGGTATATTTTTGCATGCACAAA
AAATATTTAGACTGCAATTTTCAATTTAAAATGAAATAAGAATATTTTCTTGATTCATTTCTAAATCTAATAGAT
ACGTCATTAAATTCAATTAATATCATCTATCAGAATCTAAGAGAGTGCCATATGTGTATTTCTTTGCTTCATAT
ACCATATAAGGTACGGGCAATATAGGAAAAATGTAGCATTAACTAATTTGCAATTGTGGATACATATGGATCC
TAGCATACTAAACGACTGCTATTATTGGTATCAAACCAATACCGATTATACAAGCTAAATCTTCTAATCGAT
AATTGGGCCAAAGAAAGAACTTTAATTTTTTAGTTGATTTTGATATCTATCAAGATGTTTGCTTGTTTTATCTA
AACTTGATCATTTGTTTTACCTTATTTCCATTGTAATGCTGTATTTCTCTGGATATCATTTTTATTCCCAGA
ATTGAAACAAATTAGAATCTAACTCTACGACCTCTAGGGGATAAGATATTTCCGGAACAAGCAAATCAT
AATAATTGCTGGTTCTATTTTCACTCATTTTGGAGGATTGCAATGGATTGAGCAAACTCCTCTTATAAGGAT
AGCCTTTTTCTTGATATTTTGAATTAATGGTACTTATTCTTATGAACTAATGAAATACCTATGGTTTGAGACA
TAATAAATTTCCATCATTTTTTACAGACAGACGAATGGGTTCTATAATAAGTATTCCAGTTCTAATTAATTCTG
AAAGAATCAAGCCCTTCGAAGATAGCAGAATATCCAGACTCAGGTTGCCATTTTGAATAGAGGATATATAAAT
TTGTTTGGGATCTAGCAGTCTAACCAGGAGACAACATATTTTGATGTTATTGAAAATTTTTTTATTACGTATGC
CGAACCATCCCATCTGCATTGAACACGAAAATATTTTTTAGTAACAACTCAAACCTTGCTAATCTTTTTTCGC
GTATTGGTTTTGATTTATACGTTTTCTCCTATCTGCTACCGCGGTATCTGAGACAGAGCCTTC

>trans_s_372 NM_120809|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT5G07270) mRNA, complete cds

TGATGTGAATTCCAGGAATTACTGTGGCCAGACAGCAGTGATGCAAGCTTGTGATATGGGCACTGGGAAGT
TGTACAAACTCTTCTAGTTTTAGATGCAATGTAATGAGAGCAGACTACCTCAGTGGTCCGACTGCTCTCCATT
TTGCTGCCGTAAATGGTCACGTGAGATGTCTAAGACTTATTGTGGCCGACTTTGTTCTAGTGTTCCCTATGAG

GCTATTAATAGTCAGTCAGTCATCAGCAGAAGTGATGGTGTAAATGTGAAGAACAAATGCGAACAAGGTGCC
TCGTCCAAGTTTATAAATAAGGCAGCTGATGGCGGCATTACTGCTCTTCATATGGCTGCATTAAATGGATATTA
TGA CTGTGTGCATCTTCTTCTTGACCTACATGCTAATGTTTCTGTGGTAACATTTTCATTACGGGACCTCTATGGA
TTTGATAGGAGCTGGAAGCACTCCATTGCATTATGCAGCTTGTGGGGGTAAGTTGAAGTGCTGTCAGATTCTC
CTTGCAAGAGGTGCCTCGCGGATGACTTTAAATTGCAATGGGTGGCTTCCGTTAGATGTAGCCAGAATGTGG
GGACGCCACTGGCTTGAACCTCTGCTAGCTCCCAATTCTGACTCTATATTACCGAGATTCCCCACTTCCAACCAC
CTATCCTTGCCTCTACTGAGTGCATTAAACATTGCCAGAGAATGCGGTTTTAAATCCATGGGAGCAACCTCCGA
CGATGGGGATACCTGTGCTGTCTGTCTGGAGAGAGTATGTTCCGTGGCAGCAGAGGGATGTGGGCATGAGCT
TTGTGTGAGATGTGCACTCTATCTTTGTTGACCCAGCAATATCCATTCGGAAATGATTAGGCTCATTGGGCTC
TATCCGTGTCCACTTTGCAGACACGGTATTATATCTTTCGTAAAATTGTCAAGTGCTACCGCAAAGAAAAAC
AACTTCATCTGTCTCTTAGCATATGCAGCCCATGCATTCTTCATACCGGCGATGCCGAAGATCAAGCTTCAACTT
GTACATCAGAGATCCGTAAGAACCGTGTGGCTTCAGTTTCTTCAGATGTATTTGTCCAGTAACTGCAGCCCCA
TTCCCTTCTTCTGCTATTCCTTTGTGTACATGCAATGACGGTCCATGCCCGACTTTCGAGTCCCGAGACGTTGGA
ACAGAAGATGAATCACCCCGTCAATCACAACAACCCCTATAGACCAGGACAAATTGGGAGGTCCAAGGTCA
GAAAGAAGTCTGTTCAAGCATGTTTTGGGGCAGGAGAAGCTGTAGCAGGGAGAATCAATGCAATTCAGA
GATAAACGCTTGACATGTCTGCTTGGTATCAGGTCCGTCTCGACGAGACTTGAGAATTTATAGTAACAAC
GATCCTGAAAAGTTCC

>trans_s_373 XM_002321109|Populus trichocarpa ebs-bah-phd domain-containing protein
(EBP903), mRNA

ATTCCAACAAATCCCCATTTCCATTTTCTCTCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCGTCA
GTCTTCACCTTCTTCTTTAGGGTTTCTGGGACTTATACTATCAGTCTCACAACCTTCTTAATTTCTCGATTTG
GGCCTAATTATCCCAATCCATGATCCCAATCTAACATCTTTTCCAACCTCGCATTCTCCTTCAGAGTTTGCTTTGCT
TAGTCTCCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGCTAGCTGCTATAACTCGGATAGTATCATAGATTATTAGGAGG
AATAATTCATGGCCAAGACTAAACCTGGGAAGAAAGATCTTGATTCATACACCATCAAAGGCACCAACAAAAT
TGTTGACCTGGTGACTGTGTGCTAATGCGACCGTCGGACTCTGATAAGCCTCCATACGTTGCTCGAGTTGAA
AAAATTGAAGCTGATCATCGGAACAATGTAAAGGTTGAGTTCGGTGGTATTATCGGCCCCGAAGAATCAATTG
GAGGTCGGAGGCAGTTCCATGGGGCAAAGGAGCTTTTTCTCTCCGACCATTTTGATGTTGAGAGTGCTCACAC
GATAGAGGGCAAATGCACGGTGCACTCTTTTAAAAATTATACCAAACCTGAGAATGTTGGTGCGGAGGATTAC
TTTTGCAGATTGAGTACAAGGCTGCCACTGGCGGATTACACCAGACCGTGTAGCTGTGTACTGTAAATGTG
AGATGCCATACAACCCCGATGACCTTATGGTTCACTGTGAGGGATGCAAAGATTGGTTTCATCCATCATGCAT
GGGAATGACCATTGAAGAAGCGAAGAAGTTGGATCACTTTTTGTGTTGAGATTGTTCTCGGAAAATGAAGCT
AAGAGGTCCTTGAATGCATTTCCAGTATCACCTTCTGCTGAGGCTAAGGTGGAGCCAAAGCGCAGGAAGAGA
TGATGGGCTGATCAGGATTCATGGAAGTGACAAGGAGGTGCGATTCCTGGGCCTTTTGTCTGTTAATGTT
GACGTGGAAATGTACAGCGAAGATAAGATATTGTGCTCGCACAAACCAGAGGTTTTTTTTTCTTCAAAAAAC
TACAGTGTTCAAAATACATTTACGTGTGCTAAACCTGTGGGGTCAATATTGTGATCTCAGATCTGTGTTTGTAG
TCGTGGGTACACGATGCAAAAACGGCGGTTATTTTTCTAAGCGCGTAACTTAAGAAAACATTTGCACGGAAA
TAGAAAGACTAGGACAGAAGTGTGGAAATGTTGTAATTTGCTTGGCTCTGGCTTTTTTTTAAAGATTGTATTGAA
CTGTTCCGAGCCCCCTTTTATTATGATTTTTTTTAGTCTCTTTTTCGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_374 X97853|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB1A

AGCAACGAATAGTATGTTAATACTTACTCCCACTTTCTCACCTTCGCTTTCGGTTCTAAGATTCCCACACAAATC
CAACGACACACATTCATTTTTTCCATTTTCGATTCAAGCCATGAGCAACGAATATGATTATTTGTTCAAGCTCTT

GCTAATCGGCGACTCTCCGTCGGAAAATCTTGCCTTCTTCTCAGATTTGCGGATGATTCTTATGTGGATAGCT
ATATAAGTACAATTGGAGTTGATTTCAAAATCAGAAGTGTGGAAGTGGATGGAAAGACCATTAAAGCTCCAGAT
TTGGGCACTGCTGGTCAGGAGAGATTCAGGACTATAACAAGTAGCTATTACAGAGGTGCACATGGAATAAT
TATTGTTTATGATGTTACTGAAATGGAGAGCTTTAACAACATCAAGCAATGGCTGAATGAGATTGATAGATAT
GCTAATGATAGTGTATGCAAGCTTTTAGTAGGAAATAAGTGTGATTTAGTTGAGAACAAGTTGTTGACACGC
AGACAGCGAAGGCATTTGCAGAAGAGCTCGGAATCCCTTTCTAGAAACGAGTGCAAAGACTCGATCAACG
TGGAGCAAGCTTTCTTAAGTATGGCTGCTGAAATAAAGAAAAAATGGGGAGCCAGCCAAGTTCGTCCAAGTC
GTCAGGAAATGTGCAATGAAGGGGAGCCAATTCAACAAAAGAGCAGCTGTTGCAGTTGAGCATTACTCT
CACGCCTTATTATATAATGGTATAATCTAAGTTAACAAGTTTCTTAAGAAGATGAAATTGTGTTTACTTTGTGTT
GGCTCAAGGATCTCTATGTAATTGTGAATTATCCCCGTTTGAATCCTTGTGTGTATAAATGCTTTGTGACAGTT
ACCTTTGGATACTCTCTCCCTCTCCTAATCACCCTATATGCTAAAGTTTGGAGAGAATTATATCAGTGTAGT
TTGGAGTAAAGAAAATATTCCACAACATTATAGTTGTAAAGGGTAGGGAGGAGAATGGCCATTACTTTTTCT
TTATTCATTGAGTATAGTTTCATTATGTCAAATGTTAATTCTGGGACACGTCCAAGCCACATCACTGTTGCTCGA
TTAGGCACGCCTTTCTTAGAGTTCATAAATCATGTCTAGCCTGAGGATCGTTGAGCTCAGATGTTATCGACTT
GTGATATGGGGCAGTCCTTTGCCTCTAACGCCACCATTGACAATTGATTTTAATTTATGGACCTGTCATCTTGA
ATCTTTTTAACTATTTAAATTGGAGGTACGGACCTTTTGCCTATCCTTCATTACAAGCTCGTGGATGAAGCTTT
TGGATTAAATTGAGAAGGTTTGTATATAATGTTTAAATAGGGAACGGTTACACGTATATGAATATAGTACTAA
AGTTCAAA

>trans_s_375 BT004617|Arabidopsis thaliana At2g36290 gene, complete cds

TTCTTGAGTCTCTCTGTTTTTCCACGCTCTCACTTTACTTTTCTCAGATCTTCCCTTCCATTGATCTCTACGAAATTCA
GGGCGAGGTCTGATCTGTAGATAGCGGAGGGCTCTAATGGCGGGAGGTGTGAGCCGGAAGATATCGGCAGC
ATCGGCCAGAGCTCATACGAGAAGAGCTAAGAAGAGCAGTTCTTCCCCGATTTCTTCAGGACTGCTGAGGAAT
ATAGCAGTTCTGCTCTTTTTTGGATTTTTGGCCTGGGGTTATCAGGCAATCCAGCCTCCTGCACCCAAAATATG
TGGTTCTCCCGAGGGTCTCCTATCACAGCACCAAGAATAAACTTAGAGATGGTAGGTATTTGGCGTACAAG
GAGCAAGGGGTCCCAAAAGATTTCGGCTAAATACAAAATTATCTATGTCCATAGCTTTTCGTTCTTGACAGACCG
ATGTCGCTATTGCAAAATACCATCTCTCCGGACATAATTGATAACTTGGGAATCTACATTCTATCATTTGACAAAT
CTGGTTATGGAGAAAGTGATCCAAATCCAAATCGTACTCCAAAAACCATTGCTTATGATATAGAGGAGCTAGC
TGATCAATTGGAGCTAGGATCCAAATTCTATGTTGTTGGATTTTCCATGGGTGGCCAAGCAGTTTGGAGCTGT
CTAAATATATTCTAATAGGCTAGCAGGAGCAGCACTATTAGCGCCAGTTGTTAACTACTGGTGGCCTGGAT
TCCCTGCAAACTTAACGAATGAAGCCTTCTACCAACAGTTTCGGCAGGATCAGTGGACAGTTCGTGTTGCTCAT
TACACCCCCTGGCTTACCTACTGGTGAATACACAAAATGGTTTCCTTCTTCTAGTGTGTTGCTGCTAATCCT
GAAATTCTATCTCGTCAAGACAAAGAACTCTGTCCAAGAAAGTGGGAAGGAATGAGTGTGAGCTTATATTTA
GCCAACAGGAGAATACGAGTCCATTACAAAGGATGCGAACGTTGGATTTGGGAAGTGGGAATTTAGTCCTC
TGGATCTTGAAAACCCATTCCCAGGTAATGAAGGTTCTGTCCATTTATGGCATGGAGATGAAGACAAGATCGT
TCCTGTCACTCTCCTACGTTACATTGCCAAACAGCTTCCGTGGATTCAATTATCACGAGATAGCAGGTGCTGGTC
ATAGCTTTCCCTATGCTGATGGCATGTCTGAATCCATCATTAAAACCTTCTCCTTAACCACAAATAAGGGTTTT
TATTACCATCTTCTATTCTTCTAGGTTGGTGTTCCTCGTTACTCCATTTATGTCTCTCTCCTTGCTACATTATAT
TTATAACTTTGTCTTCATTTGGCTGTTTGAAGTTTTACCTCATTTTGATAGCACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_376 XM_002864796|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing protein, mRNA

AACTATCAGAAAAATGTTTTCAAGAATTGATCCTGACAGATCAAATCATCCTGCTGCTCTCATCAACTATGCT
GCTTTTCTCTTGTGCAAGCATGGTTCTACTGTTGTAGGTGCTGGAGCAAATGCTGGTGAAGGTGGTGTGATG
AGAAGGTTGTAGGTATGAATGTTGCAAAGGAATGTTTGCTAGCGGCCCTGAAGGTGGATCCAAAAGCAGCAC
ATGCCTGGGCAAATCTTGCTAATGCCTATTTTGTGACTGGAGACCACAGAAGTCTGCGAAGTGTGGAGAA
GGTGCTCATGGATCTATTCTTTGGGAAAAGGGAGCAAACCTGGAGCCAAATTGCATGTCTATGAGATATGCC
GTTGCTATGCACCGGCTGAAGGATGCAGAAAGGTCTCAAGATCGTAGTGAACAACTCTCCTGGGCTGGAAAT
GAAATGGCCTCAATCATTAGAGATGGAGATGGCTTGACAATTGATCATTCTGTAGCATGGGCTGGGCTTTCCA
TGGTTCACAAGACTCAACATGAAATTGCTGCAGGATTTCTGACAGATCAAAGTGAAGTGAAGAGAAAAGGAAG
ACCATGCCGTCTACAGTTTAAATCAGGCAATAGCTGAGGACACAGATGATGCTGTTCAAGTGGCATCAACTCGG
CCTCCATAGCCTCTGTACACGAGAATTTAAACATCACAAAGATACCTCAAAGCCGCAATTGCCCCGTTTAAAG
ACTGTAGCTTTGCATGGTCAAACCTAGGTATCTCGTTACAACCTCTCAGACAACCTGACAGAGGCAGAAGAAGT
ATACAAGAAAGCTTTGTCATTGGTAGCCACAGAACAAGCACATACCGTATTTTGTAACTTGGAATCTATACC
GACAGCAAAAGCAGTATGAACGTGCCAAAGCTATGTTCTCAAAGTCTTTAGAACTACAACCTGGTTATGCACC
TGCATTTAACAATCTAGGATTAGTGTATTGCTGAGGGTCAATGGGAGGGGGCTAAGTATTGTTTTGAGAAA
GCTCTCGAGGCTGATCCATTACTCGATTGAGTAACTCGAAGTCTGCTAAAACGGTAGCCGTACATCGACTATG
TAATAGCTTATCGTCGTGTCATGTTAAAGATTGAAAATTCTGCTGTTGGCTTCATCCTCATTTTTGAGTTTGGGA
TGTAGACTTGATAATACTTTCTTGCAAGGAAATGTATATCAGTATTTACTCGATGAAGATGCTTCCTGGAGAT
TTCTTACAAGCTTACTTCCTTGATGAAACCAATTTGTCAATCAGGATCAATATCATAGGTTCAATTAGGTTAG
TTTCTAATCTATTTGATTCTCACTTAGAAACAGTTTTTCTTGTACATAATTGTTGTTCAATTTACTGTATCC
TGATTTTTGTAA

>trans_s_377 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete
sequence

ATCAACTTCCCCCTCGCGTGTGAACCTCCACGGTTCGCCTTCGGTTCCGTTCCCTCCGTGCGGTTTTCTCTTGA
CCGTGCGACCTCTCCGAACAGATCCGTCTCTGTTTCTTCTCCTCGCAGCGGTGGAATAATCGTGTTGTGCAGA
GACAGAGCAGTTCGAAGAGGACGTGTATGTGTTCTCTACAACCTCACCTGGCTCGTTCGGGTGTAGTCTCCA
TAAAGGTATAATTTGCAACCTCCTGCTCTGTACTCGCCGAGTAGGTTGAATGCTCGTAGATCGGCGATGACG
AATTCTCTTGTTAGAATTGGAGGCGTTGAAGGTGATCTCGTGAAACGAGCTCTAGCGGCTTTGATTGACCTT
CCTCTCATCAGCAACGTCGTCGAGTTGATTTTAGGCCAAAACGTAGCCGGCTCTCGATTATGTCCAAAGCCGAT
GAAACATTATAATCCTTTCCGGTATGTTGAAAATTGAAATTGCCTAATCTATGAATTTCCGGAGATAAGACAGAC
AGACGTAGTTCTTAATTCTCCGGCGGCGGCAGTTCTGTACGGGGCTATCTTTCTCTCCGGAGACCGTTAC
ACACATTCATTCATCACTACAGAACTCTGAAATCTCCTTTGTACAAATTAATATTTTATACAGATTACTGGATG
TGAAATTGTTTGTGTTGTCGCAATCGGCGTTCCGATCAGACCTAAACTGAGAGTAATTGGAGAAATGGATC
ACAAATTTAATGAAATTCACATGAATTTAAGAATTAGGGTTTGGAAAATCCTCCATTAGCAGTTTTGCATTCCG
TTATCTCCACCGTTTGGTTTTACGGTTTTCCGTTTCGATAAGCATAAACAGCGTTAAGATGGCGTTTGGTTTGTG
CTTTGTGGCCTTTTTCTTTATGTGTGTGTGTGTGTGTATATATATTTTACCTTCTCGTGTTTAGAAATGTTTGT
TTATTTGTTTTAATGTTTGTGTTTTTGTGTTTTTGCAGGGATATGATTGGATTGATTCTCGGCAGCCATGGATGT
GGATTCTTATTATTGTTTTAGCAACAAATACTTCAAATGGAGATTCTTTTTTGTGTTTCTTAAATCTTCACTTT
GCCTTTTATGTTCTCTTAACATCTGTTTTTGGTTCTTGAATTTATTTGTTTCTTAGAAAGAAATTTACATTTT
TTGTTGATAGTAAATCTGGTCCCTTATTTTTAAATGTTATTCTTTAATGATTCTAGAGGAAAATTACTCAAAGT
TTTGAAGAATACGGTCCTTAGTTTTGAAATGGATCTTTTTCTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTGAGTGAACCG
ATCCTGAGTTTTCAATTCTATTTTTTAGTTTGAGGTTTTCAAATTTGATTTTAAATGGATGAAC

>trans_s_378 NM_111065|Arabidopsis thaliana ACR6; amino acid binding (ACR6) mRNA, complete
cds

CAAGAAGTGATAAACGCCATTCAAATGAGGCTTGAAGTTGATGCAAGTTTCGTGCCATCATTAAGGGAGTCG
GTCGGTGTGATGCCCTCCGAAGATCACACCTCAATTGAGCTGTCTGGTACTGACAGGCCTGGTTTATTGTCTG
AAGTTTGTGCCGTTCTTGCGGACCTTCACTGTAATGTAGTAAATGCTGATGTTTGACACACAATAATAGGGCT
GCAGCTGTAGTACATGTGACAGATGATGCCACTGGCAGAGCGATCAACGATCCCCAGAGGCTCTTAACAATC
AAAGAGTTATTGTGCAATGTTCTTAGAGGGAATGGCGAGTTAAAGGAAGCTAAAATGACCCTTCTCCTCCTG
GGGTCACCAGTACAGACAGAAGGCTGCATCAGATCATGCTGGCTGATAGAGATTATGAAAGGGCTGTAAAAA
CCAAGCTTGAGGTTGAAGATAAGAACTTGAGACCTCATGTTACTGTCTTGATTGCTCTGAGAAGGATTATAC
TGTGATTACTACCAGATCTCGAGATCAACCTAAGCTACTCTTTGATGTCCTTGCACCTTGACTGACATGGAAT
ATTGTTGTCTTTCATGGGATGGTCAACACTGGGAGGGTGGAAGCTTATCTGGAATTTTACATAAGACATAAGG
ATGGGTTGCCGATTAGCTCCGAAGCGGAAAGGGATAGAGTATTGCACTGTCTTGAAGCAGCTATTGAAAGAA
GGGAGTCTGAGGGGCTTAAGCTAGAACTGTGTGCAGAAGACAGAGTTGGGCTTCTCTCAGACATCACAAGAA
TATTTAGGGAGAACAGCCTATGTATTAGGAGAGCAGAAATAGCCACCAAACGAGGAAAAGCAAAAAGACATTT
TCTATGTCACAGACATGACAGGAACCACCATCGATACAAAAGTCATCGAGTCCATTCGAAAACAGATCGGTGA
TGCCATGCTACAAGTGAAACACAACCTCATGCCTCTCCGAAACACCTCCAAAGGAGACGACAGCAGGATTCTTC
TTAGGGTACTTCTTCAAAGCAAGAACTTCCAGAATTTCAAATTGATAAGATCCTATTCTTGAAAGCTAGTTGTT
GCTCTCCCCTTTGTGTGTATATTCTTTTCACAAGTAAAAAAAAAATGCACAGATACACGACAAGTTCATTCAAG
GGACAATGTAAATATATAGGAACCTTCTTTAACCCTTAGAATTGAGGGTTTGGTACATCAGCTCAAATTGTA
GGTAATAAACCCAGGAGAAACCAACCAAGGCAAGCTTGTGGGAATGCTTGTATATGATGCTTTTAAGAAAAT
TATGTGTACAGGACAGTGTAGTGTGGTAAATGCTGTTTCTACATAAATTGTAGAAGACTGTAAAGCTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_379 DQ167445|Arabidopsis arenosa FRIGIDA (FRI) mRNA, complete cds

GTGAGTGAAGAGAAATTAGCTTCTCTGAAATGTGTTCTCAAATGTTTGGAAGATCACAAGTTGGATCCTGTGA
AGTCTCTTCTGGATGGAAAATTCACGAAATGATAAAAACTTGAGAGAAGGATATTGTGGAACCTTAGGAAAA
GAATGGAAGATAATGCGAGTCTGAAGAGAAAAACAGACGAAGCTTCCACACAGAAGTATCTGAGTCAGGAA
ATAAAGCGGTCGCGATTGGCAAGTAAGGGAGGATTCCCTGTTATGTCTTATCCAGTCAATGGTTTGTGGAAC
AAAATGCAGCTACGTTTTTGGAGGACAAGAGCTGTTTCAGTACTAGTAGTCAATGCCACAAAAGTTATT
GGATGGTGGACGTGCTTCTCAGTTAGGTAATTACCAAATTGCTTCGTCTTTCGCTGGACCTGGTTTGCTTGAA
CTACAGTTTTGCCTGCGGATATTGGTAGTGGTATACCAATGCTGCTGCCTCATTCCCAGAGGAATGGGAAG
GGGAAGGGACAGCAACGAGGCTTCCATTACAAAATGGGGCCAACTCGTGAGTTAGCTTATAAAGATATATC
AGTTGGGCAAAGCTTTATTCAACAAGCTATGCCTACACTTGCAACAACCCCTACGCCACCGCCAACAACCGTG
GAGCCTTATTAGCTGTAGATGGGTTTCATGGGACACTCAACGAGCAATAATTTTGATCTCTATCATTTTGCTGA
TGCAGCTGTGTTGAAAATGATCTGCCCAAGAACAGCAGCAGTCAAACCTGGCACTTTGTCTCGCCTTCGGCTG
CCCCATAATCACCATCCTCCCTACTTTTACAATTGATCCTAAATGTTTTCATTTTATTATATAATGAAAACAGCTG
GGTTGACTTCGTTTTTGGATAGGATTACTGAAACACATTTTCTTGCTCAGCTGCAAACCGTTGGGTGTATTAT
TAGTCATTAGATTTGCTAGGCAGGCTGGCTGGCAGAACGTTCTTTGCTCAACTTATGCACGTGAACAATGCTCT
TCATCTATTCTGTTCAAAACAACCTTTTATTTATGGTTTGTACAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTAAAAAACCCCC
ACCCCCGGGGGGGGGGGGGACCCCCATTCCCCAAAAAAGGAGCTAAAAAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTT
TAAAACCCCCGGGGGGGAAAAACCCGGGGGTTTCCCAATTTTAACCCCTTTGAACAAACCCCCCTTTTCCCCG
GGGGGGAIAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_380 XM_002303143|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR928), mRNA

CAATACTGTGCGCAATGGTACATGAATATGGTACACATTGGAGCATGATTAGTTCAACTTTATACAGTATGACT
GCTGGTGGGTTTTATAGAGGGAGATACCGTCATCCTGTTCAATTGCTGTGAAAGGTATAGGGAACTCGTACAAA
GGTATGTTATATCTGCTCCAGATAATCCAAATAGTGAGAAGATGACAAATGCTAGCTCTGGGAAAGCTCTTCT
CAAAATCACGGAGGAAAATATTGAGTACTGTTAGACTTAGCTGCTGAGCAGCCTGATAGAGAGTACTTACTT
CAGAAGCACTTCACTGCCCTGCTCTCAACTGTGTGGAAGGCTAGAATACGTGGCAACCGTTTAGATTCTTCGCT
TTCTTGGAATGGTTTCTATTCTGGTGCAAGGTATTTTTCAACTGGAAACCACATGACTCGGTATTTTGGGAGGG
AAACAACAGGTAAATTGAAATTTGGCAACACAGGACACAACCTCAAGTTACTAGCTGCTGCACTTAATGATGT
TTGTTCTACAAGGATGGATGATAAGAAGTCCCAATCCTATCATGGGGAACGGGCATCAGTCACTACAGATCAG
TTGGAGTTAACTTGAGTTCCAGGGAGAGAATGATCTTATCGTGCCATTTCATCTTCGGTTGACTTAATAGT
ATCTGATTCAGTTTACTTGCCCTTGGTCAACCTGGATACATGTGAATCTTCTGGCGCTCGAAAGCGGACAAGA
GTTGCAGAGATGCGTTTCAGGGATGCTGCTAGAGCTTGCAAAGAAGATTTCCACGGATGGGCTTCCTCTGTTT
TCCCGATAAACGATCTCAAACTCGCTCTGCTTCAAAATCACAGTCGCTGGGAAAGCATAAGCTTGAGTTGCT
GACTCTTCTAAATTTGCAAAATCCAAGCATAGGAAGACGGGACCGGACAATGGAGAAAGTTCCCACCACCTG
ATTACTGACCATCAGATGCCATCACTTGCCAGGAAGATAACCATAACTTATATTCCTCAGTTCACCAATTCTT
ACAGATTATTCATTTCCATTTGGCATGGATGAGTATCCATTTCCACATGAAGAGCCAGGGAGTCTAGAGATGA
TTCCTCATGATTATATCCCAGGATTGATTTCAGGTCTCGACATACCCAAAGAAATTTGATCAAGTTCCATCCTTC
AAATTGCCATATATTGCCAGCATGAATCTGATCTACTTCTTTCTGGGAATTTTCATCGATGGATGTTGCTTCGCAA
CGGTTGGGCACAGTCTTCTTGTGGAGAATTGAAGCAGGGTTTCTGGTGGATGGAAAAACCGAACATGATGT
TACCAATTTTTGTCTCCCTTTTCTTGTGTTTTGTTTTGCCAATTGCCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_381 AB031321|Nicotiana tabacum cig2 mRNA, complete cds

ATCTTCATTTTCGTTGGAAAGTATTAGGAGGGTCGCCGCTCTGTTCTGTCTATCTTCAGATTTTGCTGGTTTAGT
TTCTTGTAAGCGTAATAATGGCTTTGGATTGCAACAATGGCGGCGAAGTTGGAGTGGATAACTCTTTCAGTC
CATTTGTTACAAGCGGGGCTCCTTGCGGCTGCTCGATCAGAGGAACTCCCTTTGGAACTGTCTACTTGGAT
ATCAAGGACGCAACAGATGGATGGCATGCAATTAGGGATATGGTTGTACGTGGGGCACCTGCCATTGCTATT
TCAGCAGCTCTTGCTTTGGCAGCAGAAGTTTACAACCTCAGCCCCTTTAATGGGACACCCAATGATGCAGCGTC
ACTTATTGCAGATAAATTGGACTACTTAGTCTCCAGCCGGCCAACCTGCGGTTAATCTTGGCGATGCTGCTATAA
AACTTAAAGAAATTGTATCCGGGGCCGCTGCTATTTCTGTCTGAAGCCAGGAGTGTCTTCCAAGCTTTTATAGA
GGCTGCTGAAGCAATGCTGGAGGATGACGTTGCTTCAACAAAGCCATTGGGTTCTATGGAGCAAATTATATC
CGTGATCAACAAAAATCACTGGAGAAGTTTTCCGTTCTAACGCATTGCAATACGGGCAGTCTAGCAACAGCTG
GATATGGTACTGCCCTTGGTGTTATTCGTGCACTTCACTCTGCAGGCGTGTTAGAAAGGGCATACTGTACTGA
GACACGGCCCTTTAATCAAGGATCTCGACTCACTGCCTATGAGTTGGTTCATGAAAAGATACCTTCTACTCTCA
TAGCCGATTCTGCTGCCGCCGCTTAATGAAATTTGGAAGAGTGAATGCTGCTAGTTGGGGCAGATCGTGT
TGCTGCAAATGGTGATACCGCAAATAAGATTGGAACCTATAGTCTTGCAATTGTGTGCGATGCATCACAAGATT
CCATTCTTTGTGCTGCACCATTGACTTCCATAGACTTATCCCTTTCTTCTGGAGAAGAAATTGTTATCGAGGAA
AGGTCACCCAAAGAGTTGTTGAACTCTCGTGGAGGTCTCGGCGAGCAAGTTGCAGCATCTGGTATCGCTGTCT
GGAACCCTGCTTTTGACGTCACTCCTGCTCATCTGATTTGTGGAATCATAACAGAAAAGGGAGTCATCACGAA
GGCGGGTTCTGATTCTTTCAACATAAAGGAGTTTGTTCAAAAGACAGCAGGGCCTTCACATAGAGAGGTGG
CCGTCAACGAACGACGTGCTATTCTACAGGTACACTAGAAATAAAAAATGAATGTATGATATGCCTATCTTAAA
ATTTGAGACAAACTACATAAGTGAGTTATTGATGAAATAAATGTTCTTGTTTCATCTGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_382 AB124647|Nicotiana tabacum NtTPC1B mRNA for two-pore calcium channel,
complete cds

TTTTTTTTTTTCGAATAGGAAACATTTAATTGATGAATGAAATAGGTGGTTATAAGAAATCTCTCCAAATGAAG
GAGTTTTATATGCAGATTAATATGAACGAAAAGAAAACTAAATGGAGCTTGGCTCAATCTTGGAACAAAAAT
TCTGATGAGAGAAAGATGCTGTAATATCGAACTAACTTTTTCTTCAGGAATATCACAGGTGCTTCAAACCTTCA
GTTTATGCCAGTTGTCATCATCCTTTTTCTAATTTTTTTTTGGCTTTGAAGATTGCTGTATTATTCTCTGGCATAA
GATTATCGATGTAATCTAACAAAAGGTGACCTAGTGAATGATTACAAAAAGAATGGAACATCATCGACACT
TCCTCTAGGTGCTCCCTTTCATGGGCATTATTTTTATTTTATTATTTTTTTGTTTTGGTGTATGCTCTTATGTTCC
TTCATTTTTTTCTCAATGGAAATTGATTCGAGTGATGTGGGAAGTATTATTTATATGTACTCTAGCCTCATAAGT
TGGATTTTACAGGGTTTCCAGTGGTGTTCAGCAATTATTTTCATTTCCCTCATTACTGTAACCTTTCTTTAC
AATGACTGGAACCTGTCGCGAATTTAATATTTATCTTTCCAGAGCTACAAGGAATTAACCGGAAGTATTTGGA
GCCTTGTTTATTTATCAGTTTCTACCTAATAACCGTTTTGCTGCTCTTAAATCTGGTTGTAGCTTTTGTCTAGA
GGCATTCTTTGCTGAATTGGATATTGAATCTTCAGAAAATGGTGAAGAACAGGACCAGGACAGCGATAGTAG
AAGGATCGTCCACGTTTCGTTGGCACTAAACTAGGAGCCGCAAAGTTGACATTCTTCTCCATCATATGTTGAG
TGCAGAATTGGGCGAAAAGGATTCCGATTAGTCTTGCTTCTTTCCAGATAAGGAAATCTTTCATCAAATGAAG
CTCTGATCTTTGTTGTTTTCTTCTTCTTCCCGCATCATACTCCAGATCCCACCGTTCCAGTTCTTCCGTTCCC
TGTGATGGAGAATTCCGAGTAAACCAAAATTTAAAAAATAATGTCCCTGTACATCATAGTGTAAGATGTC
AGAGGATTTTTTTTAAGGGAACAACCTTTGAAGATTGGGAGTGAATCTGAATTGCGTAGTACAGGAGACTCTC
CAAGATTTTATATACTTGATCTCCATTAGGAGAGAGACGGAAAGATATTTTAGCTATGTACTCTGAGAACCTAA
TTTCAGTTGGATTACTTCAAAAGANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_383 AY496128|Capsicum annuum 60S ribosomal protein L12 mRNA, complete cds

TCTCTTTAGTTCATCAGTGGCTGTGGTTGTGTTTCCTTCTGTGGAATCTCTCGAATCCACTACCCTTCCCGCCG
CCGAATCATGCCTCCGAAGTTGGACCCTAGTCAGGTGCTTGAAGTCTTCGTTTCGCGTCACCGGAGGTGAGGTC
GGAGCCGCTAGTTCTCTCGCCCCAAGATCGGTCTCTCGGTCTTTCCCCTAAGAAGATTGGAGAAGACATTG
CTAAAGAGACCGCCAAGGAATGGAAAGGTCTTAGGGTAACTGTAAAGCTCACCGTCCAAATCGTCAGGCGA
AGGTCTCCGTTGTTCTTCTGCGGCGGCTTTGGTAATTAAGGCTTTGAAGGAGCCGGAACGTGACAGGAAGA
AACTAAGAACATCAAGCATAATGGGAATATTTCTTCTGATGATGTGATTGAGATTGCTAGGGTTATGCGGCC
CAGGTCGATGGCTAAGGATCTCTCTGGCTCCGTCAAGGAGATTCTTGGTACTTGTGTGTCTGTTGGCTGTACT
GTCGATGGCAAGGACCCGAAGGATCTTCAACAAGAGATTACTGATGGCGATGTTGAAATCCCCAAGATTGA
GAGTAAACTTTCTTTGGCCACTCCTTTAGAATGAGGGATATTGAATTTACTTCTACATCCTTGTTTTATCAGTT
TTGCTATTTAACGTAAGTTTTAGGGTGGTTTTCTCTATTTCTCTTGTATTCTGCGTTTTTGTCTGTTTTTTT
TAAAGAAGCCTGAATTGGATTATTGCAATGAATATCAAAGCTTTATTTCTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCGAAAACCTAACCGACCCCGCACCCCGGGGG
GGGCCCCGGGCCCCCAATCCCCCAAAGGGGGGCGGAAAACCCCGCCCCCGGGCCGCGGTTTACCACCGCC
GGGCCGGGAAAACCCCGGGGGGCCCCCACCTAACCCCTTGGGCCCCCCCCCTTCCCCGGGGGGGGAA
AAAGCAAAAGGCCCCCCCCGACCCCCCCCCCACCAGGGGCCCCACCGGAGGGGGGAAGGGGGCCCCCCCC
GGAACGGGCCCATAAGCCGGGGGGGGGGGGGGGTACCCCCAGGGGGCCCCCCCCCTGGCCGGCCCCC
AGGCCCCCCCCCTTCCCTTCCCCCTCCCTTCCCCCCCCCGTCCGCGGGTTTCCCCGAAAGGCCCGAAAG
GGGGGGCCCCCTTAGGGGCCCAATTTGGGGCTTACCGGCCCCCCCCCCCCAAAAACCTGGACGGGGGGGG
GGGCCCCGCGGGGGCCCCCCCCC

>trans_s_384 NM_001054337|Oryza sativa Japonica Group Os02g0693500 (Os02g0693500)
mRNA, partial cds

GGGTTTCTGTATTTCTATTGAATTTTCCCTTTTCTCCGAATATTCTCCTTCTCCATTCCAATTTTGAGTGATCC
TAAAGGAAAGAAGATAATTGGGTGGTATGGTTATGGAGTTATAAAATAGATTCAATTTCTTTTCTCTCTCTC
TCTTTCTCTTCCCTTTCCCCCTTCTCTGGTTCTCTGTTGGTTTCTCGAGAAAGGGGAAAAAAGGGTTATTT
AGTTTCAAAGAGAAAGGAGAGGGGGAAAAAATGGAGAAGAAAGGGGATATGAATGTGGTTGGTAAGATG
GGTAAGTTTCAATTGAGTTTTTGGGAGTTGGGTGTGTTTACAACCTGTTGTTTTGCCTTCTTTCCGGCCTTCTC
TGTGTTTACCTAACCATGCCGGCCTCCGATTACAGCTTCTCAAGCTTCTCTCGTAACCTTCAAGATCTTCAGATT
CTCAGAGATCACCTTGAGGAATATACAAGTGACTACACTGCACAGGTCTTGGTTGGATACTGCGTGGTCTACA
TCTTTATGCAAACCTTCATGATACCTGGAACGGTTTTTCATGTCACTGCTTGCTGGAGCCCTCTTCGGAGTCTTCA
AGGGCGTTGCTCTTGTCTGTTTTCACTGCTACGGCCGGAGCTTCTCTGTGCTATTTCTCTCGAAGATGATTGGG
AAGCCCCTCGCCTTTACTCTTTGGCCCGACAAGGTGAAGTTCTTCAAGATCAGGTTTCTAAGAGAAGGAAAA
AGCTGTTGAACTACATGCTTTTTCTAAGATTGACTCCAACCTTGCCAAATACATTCAATGTTGCATCTCCAA
TTGTCGACGTGCCTTACCATACCTTCTCTCTCGCTACCGTGGTTGGTCTCATCCGGCTGCCTATGTTACAGTCA
GGGCTGGATTGGCGCTCGGAGAATTGCGATCGGTTGGTGATCTTACGACTTCAACTCGATCGCCACATTGTT
TCTTATTGGAATTGTCTCGGTGACACCAACTTTAGTTGGCAAGAGTAAATCATAACATTCCATGGCGTAACACA
CACACACACACACTTGAGCTTGGATATTTGATTGCCTCGGAGCCGAATTTGCAGCCTGATTCTGTGTACAG
ATATAGCGTGATCCTCCGAGCAGCGACTGAAGGTGATAAATGATAATTGATTGTTTGGTGTGTTGAATATAAAT
GTGGAAGAAGTGAGGTTTTGTAGAGTTTGGGAGAAAGGTCAGAGTTATTATATTTGGATTTGATCGTCAGT
AATTGTTCAATGTCTCTTATGGATAATTGTAATTGATTGACAAGAAATCATACAATGGATGATCATATTCATTTG
ATTGACCAAAATTCATAAAATGAAACATCATAATTCATTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_385 NM_001186035 | Oryza sativa Japonica Group Os02g0478550 (Os02g0478550)
mRNA, complete cds

ATTTTCATTTTCATTTTCGTTCTTTTGCAAGTCATACTTCTCTAGACACGCTGCTCCACCAAAAACCCACACCTG
CCGGAAAACCCTATTTGCAAGTTCTCTCCGTCGTATCGGAAAACATCCTTGCTTCTGCCTGAAGTTTACAAGC
TTATGCTCTCTCTCACTCACAGAGTTTCGGAAGTCTGTCTCATCTCTATGTTTCTTCTCATCCATTTTCGATTGTTT
CGGACGGATGCCAGACCTCCAGGCGGCGCTCAAAGCCTGCTGCATTACCGTAAACAAGCCTGACCACAAG
TCCGAGTGGTGGGCTGTTGATGGCGAAATGCATGAAATCGGCGACAATGTTCCCTCGCGAGCGATTTGTTA
TACCCAGAGAAAATCTCCCAATCGGCGTCGAAAGCAGCTCAGGGAACAGTTCATGCGTCGGACTCGCCTCGT
TCTCAAGGAATCTGAGCACGATCCATGGTGCAAAAAGTACATGGAGCTTTATCAGGAGCTAAGGGAAAAGT
GGAGAGACTGTACTGGGATGAGGGTTATTCCAAAAAAGTGTAGGGATCATGCAAACTATGAGTCTGCTGA
GGACGAAGATTTTCTCCTTATAGGAATAGGCAATCCACTGCTGATCGGAATATGGGTGAGGATTTTAGGAGG
AACATGCAAGGTGATAACTGGGAGAATGTCAGCCAGATTAGAGATAAGTTTGAATACGATAGAGAGAGAAG
AATGCAAGAGAGAGCATTTGCACCTATGCATGGAGATCGAACTTTTCCCTCACAGAATCCAAATTCTCGATGG
CAACAAACAGACGTGCAGCCTCAAAGATACGTGTCTGAGAGTGATAGTGACTGACAAATTGACTAAAACTTT
ATCTGCGTCTATGTGGAAGAAGAAGGTAGAAATATCCTTACAGCTCATCTCTCCCTTTGCTGTGGTTACCATTA
TATCTGCAGTTGTAGGGTGTCTTCTCCATCTCAAGTTTAAACAACCAGAATCATTTTGGTTACTTCATTAGGTT
CACTTCGAGATCTGTGGTTGGTTTAGATATTGTGTTAATGCTCTATAGAGTGAACACAAATAAACTGAACAT
TTGGTACCGCTACATTCAAATGACATAATGATTGAAAGAGCTTGGCACTGGGGAGAGGCTTTTTTTTGGTCTC
CAGTTTAGATCTCTGAAAGAAGGCCAATTGAGAGAGATTGGTGATGGATATAATATCTATACTTTGTACACCTT
GAAATGTAGGATTTTGTACAATTAATTGAATCTCATGTATGAATTTTGTGTTAAAGGGTCTGTGAAGGAAC
TGAAAGGCCCAATTGAGTGTAGTTTAAATTGACTGTTGGTCAGTCAACAAGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_386 NM_126004|Arabidopsis thaliana iron ion binding / oxidoreductase/
oxidoreductase, acting on paired donors, with incorporation or reduction of molecular oxyge>
(AT5G66060) mRNA, complete cds

AGTTTACCATTACAGAGAAGCTTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGCTTTGGACTTTGGAGACGAAGACCAAAATTTT
CATTCCATACTCTCATCAAATCCCCTCTTCAATTCCAAATCCTGCTCCCGAAAGGGTTTCTGTTTCCATGGCG
AAACACAGACAATCTCGATTCCCTACTCGGAAGTCCTCTTCTTCTCTACTCTCGTTTTTACCTTGCTCATTATGT
TCACTTTCGTCATTCTGATTCTTCTCGCCCTTGAATCCTCTCGATCCCTGGGAATCCGGCGGTTTCGACCAAGG
TTCATGATCTCAGCTCGATTGTGCGGAAAACCTCCGATGACGTTGACGAGGAGAAAGGGGAGCAGTGGGTTG
AAGTGATCTCATGGGAACCTAGAGCTTTCATTTATCACAACCTTCTGACAAAGGAGGAATGTGAATACCTAATC
AGCCTTGCCAAGCCTCATATGCAAAAGTCTACAGTTGTTGACAGTGAAACTGGACAGAGTAAAGATAGCAGA
GTTTCGCACTAGCTCTGGAACGTTTTTGCCGAGAGGACGTGATAAGACTATTAGAACTATAGAGAAAAGGATT
CTGATTTCTCCTTCATACCCGTAGAGCATGGAGAAGGACTTCAGGTTCTTCATTATGAAGTAGGACAAAAATAT
GAACCTCATTTTGATTACTTCCTTGATGAGTACAATACAAAGAATGGAGGTCAACGTATAGCAACAGTGCTTAT
GTACCTCTCAGATGTCGAAGAAGGAGGTGAGACAGTGTTCCCTGCTGCCAAAGGAACTTTAGTTCTGTACCT
TGGTGGAATGAGCTTTCAGATTGTGGGAAGAAAGGACTTTCAGTTAAACCAAAGAGGGGCGATGCATTGCTT
TTTCTGGAGCATGAAGCCTGATGCTTCTCTAGATCCATCAAGTTTGCATGGTGGCTGCCCCGTTATCAAGGGG
AATAAATGGTCTGCTACTAAATGGATGCGAGTAGAAGAATACAAAGCTTGAGTTGATGTGACTAAGTTGGT
TGACATTTCTTGTTATTTGTCAAAGTCAAGATGCAATTTGTGTAGGGAATCATCATTTTCTATAATTTAACCTT
TGTCCACAACCTACTAGATCCTTAAATCTATGAATTTTGATGTGCTTAATATTTTAGTTATGAGCTTACATTGTTAT
TGATTTCTTGTTTATGGCCACGAGAGAATAAGAGTTCATATTTTGGCCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAGGCCCCCCCGACCCGAGAAAAAATTAACCACACCCCCCACCCCCGGGGGGGCCCCGCCCCCTGTCC
CCCCATTGG

>trans_s_387 AJ133146|Persea americana mRNA for fructose-bisphosphate aldolase (alf gene)

CTTCTTCTATTTTCAATCCTCGTTTCCATTCCAAAATGTCTTCTTCAAGAGCAAGTATAAGGATGAGCTCATTG
CCAATGCTGCCTACATTGGCACTCCTGGGAAGGGTATCCTTGCTGCTGATGAATCAACTGGTACCATTGGCAA
ACGTCTAGCGAGTATCAATGTTGAGAATGTTGAATCGAACCGACGCGCACTCCGGGAACCTTCTTCTCCTCACTC
CCGGTGCCCTTCAGTATCTCAGTGGAGTTATCTTGTTTGAGGAGACTCTCTACCAGAAGACAGCTGCAGGCAA
GCCATTTGTTGATGTCTTGAAGGAAGGTGGTGTGTTGCCTGGCATCAAGGTTGACAAGGGTACTGTTGAACCT
GCTGGAATAATGGCGAAACAACAACCAAGGTCTTGATGGCCTTGCCAGCGCTGCCAAAAGTACTATGAA
GCTGGTGCTAGGTTGCGCAAATGGCGTGCAAGATCGGTCTCTACTGAGCCGTACAATTGTCTATCA
ACGAGAATGCTTATGGATTAGCTCGGTATGCTGCTATCTGCCAGGAGAATGGTCTTGTTCCCATTGTTGAGCCT
GAGATTCTGGTTGATGGATCTCACAGCATTGATAAATGTGCTGAAGTGACCGAGCGTGTTCTTGCTGCGTGTT
ACAAGGCCCTCAATGATCACCACGTCTCCTCGAAGGGACTCTGTTGAAGCCCAACATGGTTACCCCTGGATCT
GAAGCTGCCAAAGTTGCCCCAGAGGTGATTGCTGAATACACTGTTGGGGCTCTACAACGTACCGTCCCTGCTG
CAGTTCCAGCCATCGTTTTCTTGTCAGGCGGGCAGAGTGAGGAGGAAGCAACCCTCAACCTCAATGCCATGAA
CAAAGTGAAGGGAAAGAAGCCATGGTCGTTATCTTCTCGTTTGACGTGCCCTTCAGCAGAGTACTCTCAAG
GCATGGGCAGGAAAGGAGGAGAATGTTGAGAAGGCAAGGGCTGCTTCTCACAAGGTGCAAGGCCAACTC
GGAGGCAACCCTCGGAACATACAAGGGTGATGCAAACCTCAGCGAGGGTGCGGCAGAAAGTCTTCATGTCA
AGGATTATAAATACTGAAAAGGGGTATTTTGCTGTTTCTATTGTTATTATGTTTTGTTAATTAAGCATGAGGT
AGAGCATTCTGACGTGTTGATGAGGTTCATCAGGGACAACAATAAGCCTTTTGAAGAAGCTTTTTCTTGCTTT
GCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGTGGGGATTGTGGAGTGAGCTGTGTTCTGGTTTTTCTCTCAGTTGTAA

AACAAAGAAGGAAAAAAAAAATAGGAATTTATCTATCTTTACATTGAACTTTACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_388 XM_002891231|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription factor, mRNA

TTTTGTGTTATTATCGTTTCCCTTTTAAATCCAATCCCCAACTTTAACGAAGATGTCCCGATCGCTGGTGCAGC
CGATCGGGCAGAAGCGGCTGACCAACGTCCCCGTGGTTCGTTTGAAGAAACATGGTCTTCGCTTCGAGATTGC
CTGTTACAAGAACAAGGTCCTTTCATGGCGCTCTGGCGTGGAGAAAGACTTGATGAGGTTTTGCAGTCGCAA
ATTGTTTATTGGAATGTTTCAAAGGAGTCTTGCAAAAACAAAAGATTTGAAAGCAGCTTTTGGTACAGATG
ATCAGACGGAAATTTGTTTGAAGATTCTTAAAGAAGGGGAACTTCAAGTTGCAGGGAAGGAGAGGGAGGCT
CAATTATCCAATCAGTTTCGTGATATTGCAACTATTGTTATGCAGAAGACCTTCAATCCTGAACTAAACGCCCT
TACACCATTAGCATGATTGAGCGACTAATGCGTGAAATTCATTTTGCTGTGATCCAAATCACAGCTCAAAGAA
ACAGGCACTAGAGGTTATTCATGAGCTTCAGAAACAGTTCCCAATTAAACGGTCACCTATGAGGTTACGATAT
ATTGTACCTGAACAGAACGTCCCTTCTCTTCTTGATAAGTTAAATGCTTGGAGTGCTAGTATTGTTTCCAATGAC
CAGTCTGGAAATCAGCAACGAAGCATAATTTGTGAATTGGATCCTAGCTTTTATCGAGACTGCAATCCACTAAT
GAGTGAACACATGGCAGATTTGAAGTTCTCTCTTTTGTGTCACGAGGAAGGAGACACCAATGTGGATCAA
TACGAGGACGATTATGAGAATGTGGAAGTCTACCAAGGCAATTAAGGAAACAGAATCGTCTATTCTCAG
CTAAGTGAAGCTTTACAAAAGCAGACAATTTCTGTCAACAGTGATAACGCCCAAAGGAAGGAAAACGCTGC
AGCACATGCAACGTAGCCGTGGGAGATGCTACAAAGTTAGAGAACATCACAAGAGTGATTGGCATAAGCAT
AATGTCAAGCGCAAACCAAGAATCTTCCACCTCTGACTGAAGAAGAGTGACGGTAGAATTGGCAATGGGT
GATTCAGAGTCTGACCTGAAGGAGTATTCATTTGAACTACCTGCCGTGTTTATGCTTCGTTGAATAGCTTTGA
GGTTTTGTATTTAGTTTGTCTAAATAGTATGAAACAATACTATTGTATCTTACACTTGTTAGACGGTCTC
AACATGTCTCGCATCATGTAACAATCTCAATTTTCATAGTTTTGTCATTTTAGTGCTTTTTGTACTAGAAAGAAT
GTAATGACTGAAATATGACCGCTTGTAATCAATTCGGGTTTGATTTAAATGTTTTATGTTTTCAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_389 NM_001058120|Oryza sativa Japonica Group Os03g0800500 (Os03g0800500)
mRNA, complete cds

TTGCTTATGCCGCTTCTTCCCACTTCTCTACCAAATCCCAGTGAATTCATCATACTCTTCATACCCTAAAAT
CAGCAATGCCCTTTCCAATTCATCACTATTTGCAAAGATTCAACATCTCCGCTCGAACCCCTTCGATTGACATTG
GAGAAATCTCCTCTAAACCTTTTCTATCATCATTCCTGAATCAATTTCCAATGCCATAATCCCACTCCCACCCA
AATGTCTCGGCTAAATCCCTCTGGAGCTGCAGAGGATTTTTCTGAACAATTCAACCCCCACTCGTATTCTTCAG
CTTCCGGTAACCGATGACTACTTCTTACCATTAACTTCTCCATTATTCTCTGCATTTTCGCCGAGAAAGACCCTT
TTTTCGCTCAAGCTTAATCGGCCCTCCATCACTCAGAGTACACATTCTCTTCATTTTCGAGTCCATTTGTAAATG
TTCCTCATTCAAAGTCTGATCCTGTTTCTCGACTTCTCGGATCATTCTGACTGTCCCTCGAAGTTCTTCAAA
TGGGTTTCTCGAAGATGACGAGATCATCCCTTCATTTGAGGAGAAGCCAATTAAGTTCTGATTTTGGTTCTGT
TTTGGGCATCTTTATCCCTTGCTTGGTTTGCCGCTTCTGGGGATGCTAAAGCTGCTGTTGATTCTATCAGAGCTT
CGAATTTTGGGCTAAAGATCGCCAGCGCATTGCAAAGCTCAGGCTGGCCTGCTGAGGCTGTAGTGTGTCCT
TGCTACACTTCTGTAATTGAGCTCCGTGGGGCCATTCTGTTGGTTACTGGATGCAACTTAAGCCTGTTACTC
TAACCGTTCTATCAGTACTTGGGAACATGGTTCTGTACCCTTCATCATACTCTATTTGAAGAAATTTGCAACTT
TTCTAGCGGGAAGGAATGCATCTGCCTCTCAATTCCTCGATATGTTATTCAAGAGGGCCAAAGAGAAAGCTGC
ACCTGTTGAAGAGTTTCAGTGGCTTGGTCTGATGCTATTTGTGGCCGTGCCTTTCCCGGAACAGGAGCTTGG
ACTGGTGCCATAATTGCTTCCATCTTAGACATGCCATTCTGGTCAGGTGTCTCTGCAAATTTCTTGGTGTGTA
GTGGCAGGGCTTCTAGTCAACTTGTTGGTGAATCTTGGTCTGAAGGAGGCCATTGTCACCGGAGCGATTCTTT
TCATTATATCAACATTCATGTGGAGTATTCTTCAATGATAAAGAAAAGCTTTAAGAAAATGAACTAATCCAAA

AGGTTAGGTATTTCTTTGTCTACTGACAATGAACCAGGTTGGTCTAATCTTAGTCTGATAGATCTTGACTTTGA
CTTGTTACTTGTTAGTTTAAGTTGGAAATCTGATCAATTGATTACTTACTCTATAAAA

>trans_s_390 AY116964|Arabidopsis thaliana AT3g47850/T23J7_180 mRNA, complete cds

TAAATTTATGAAATCGGAGGGAGGTCGTAAACGGGATCCGGCATCGAGCAGCAACAGAGCTCGAGAAGAAG
AATCCATGGTGGCCATTTCCCTTTACAGAGGTAACCTCCACAGGGTCCCTGATATTCCTCGCCGATGGCTTATG
CCCACCCACAATATCTCCATTAAAGATTTCAAATCCCTTCTTCACCGTCGTTCAAAGCCCTCTCTCGCCTCCGC
ACCCCCACCTCTTCTTCTCCAGCCAACTTTCTACTTCCCCTAACCCCTAACCCCTAACCCCTAATACCAATTCTTTAAT
TAAATCGGATGGTGGTATGGACCTAGAAATAATGGGTCTGCGCCTGAGGTTCCATTGGAACTCATAGGGTTAG
TGTTGGTGGTGAAGACCTTCTGCGCTTGTCAGGAGAGGAAGAAGTCGGACATTGGTGATAATTGTATTGG
AAAATCGGGTGATGGGTTTGATTCTTTAATGGTTCGGAAACCTTGTTTTGCTGAGCAGGGTTCTAATCCCGTG
GAAAATGGTGGCGCGCATGCGAAAGATAAAAATCCTGCTGTTTTAGAAAACCCCTAACACAGAGGCAAACAAG
GAGGAGGGTTTGTTAGAGGACAAGGAGGACAGGAAAAGGGAACCTGAAGAGAAGTTAAAAGTTTTGAATGA
AAAAAACATAATCTTGTTCAAGTGTTAAACAGATCTTACATGTGGAAGAGGAATTAAGGCGTAGTAGT
GTGCAAGGAACGGCAATTCGCCCTTCTGCTCCTCTTCAAGTGGATGCCTCAGCTGATACAGGTTCAATGACCA
GACAGCTTGCTTCTAGGGTAGGCTCAGAAGTGAATGCTAGTGGATATATTGAAGGGGGAGAAGCTGATGATC
TTTTGAACCAGAATTTTCTGCTCGTCAAATGCTTCGGAATAGCAGTATGTCACCTTCTTCAGAGTCCCTCTTA
GAAGGCCTGTTACATCCAACCAATATGGGCTCACATCCATCCCGAACAAATCTTGGCATTACTGGGAGTCC
ATCATGTCTCCCTCCGGCTGCGCAATCAGGGCTTCTCCAAACCTGCCTACTGTATCTGTATCCGGAACCAACT
ACGTTGCATCTTCACCTTCTCCTGCTGCATCTGGGGGCACTTCAGTTCTCAGAGATGCTCGGCAGCCTAGCCCA
TGGAATTAGAGATCATCTCTGTAATTTGCATTGATGAGTTCGTTTTGATTCTCCACTTCTGGTTTCAGCAGAGC
AGAGTGAGTTCTAAGACTAGTTTCATGATGTATAGTTATACTCTTGTGAAAATTAGGTTTGATGATCTACCCAG
CTGTAAGTCGGCCTTGTAACATCACCCGACTGATGGTTTTGTATTTTGTTCAGTATATCACTTGTGCAAAATTG
GAAAAA

>trans_s_391 XM_002869634|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase, mRNA

AGGGATTCAAGCTCTTTTAACTTCCTATGGTAGAGAAGAGGAAGTTGTGGCAAAGACCAGGAGATGTTGA
AGGCTTTGGACAGAGCTCTGTTGTCTCTGAGGAGCAGAAGCTTAATTGGGGAGATCTCTTTGGCATGTTTATC
CTCCCCACTTATCTGAGGAAACCTCACTTGTTCCCAACCTCCCTCTTCCATTGAGAGATGATTTGGATGCCTAT
GCATTGGAGATGAAAAATCTTGGCATGAACTGTTGACTTAATGGCGAAAGCTCTGGAAATGGATAGTAGC
GAAATGAGAGAGCTGTATGAGGAAGGAATGCTGTCAACAAGAATGAATTACTATCCTCCATGTCCTCAACCA
GAACTTGTCATGGGACTCAATAACCATCTGATGCTTCAGCCATTACCATCTTCTTCAAGTCAATGAAATGGA
AGGCCTCCAGATAAGGAAGGATGGGAGATGGACTCCTGTTAAGCCTCTCCCAATGCTTTTGTTGTCAATATT
GGAGATGTTTTGGAGATCGTCACAAATGGAATATATCGCAGCATCGAGCATCGGGCGACAGTGAACCTCAACG
AAGGAGAGGCTTTCAAGTGGCCATGTTTTTCAAGTCCAAGGTTGGATGGGGAGATAGGTCCTGCCCAAGCTTG
GTCACTTCAGAAAGACCTGCTTTGTTTAAAAGAATTGGAGTCGCAGATTTCTCAATGAATTCTTCAAAAGAGA
ACTGAATGGAAGGTCATATCTTGATGTTATGAGGATCCAAGAGGAATAAGACTAAAAACAGGCGTTATTCAG
GAGTATATCTCAACTAGGTTGACACATCCTACATCCTAGCACTCTCATTATACTATGTTGAAATTTTATTGCTTA
AATGCCCCACCACTTACCTGGAAGAAGTTCTTTTGTGATAAAAGCTGTTAGAAGCAAATTTGAGTTGGTAA
AGCTTTTGAAAAGTTGGATCTTTTGTTCAGATTTTGAAGCAAATTTGAGTGGGTTAGTGGCTTTCTTTTGTCTG
TTTTGATCAATGGCCAATTCAAATTTTAAAGTAAATGCAAGATGAGGAGTGGGGTTTCCCTTTTTCTTTTCCAG
TTTTAATCAAACTATTTCTAAATTTGAAGAAAATTCAAGTGGGTGAATGTGGGTTTTGAGCTGTTTTGATCAA
ATGCAAACCCCAATACGAATTAGGGGAAGAGATTCAAGTGTGTGAGTTGGTATTTTCTATTTTGATCAAATCC
CCAGTTCAGTTTTTGAAGATCAATTACTGTTATATATGGTCCATACCCCTCTTAGAAAATTTGAAAACAACAAC

TTTGATCGAAATATGGACGATTGAATAGAAATATATAATTCTTTTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_392 GQ925908|Solanum lycopersicum flavonoid biosynthesis oxidoreductase protein
mRNA, complete cds

AGGAGGCCTGCAAGTCCTACGGCTTTTTCCAGGTTATAAACCATGGTGTGAGAAAGGAATTGGTGGAGAAAA
TGATAGAAGTTGGCAAGCTGTTCTTTGGGCTGCCGGTGGAGGAGAAGTTGAAATTTTATTCGGACGACCCTTC
CAAGACTGTCAGACTCTCCACAAGTTTCAATGTCCGGAAGAGCAATTCACAACCTGGAGGGATTATCTCAGA
CTCCATTGCTATCTCTCTCCAACCTACACCCCCATTGGCCCTCTAATCCACCATCCTTCAGGGAAATAGTGAGT
AATTATTGCAATGAAGTACGAGAAGTTGGGTACAGAGTAGAGGAGCTGATATCGGAGAGCTTGGGGCTGGA
GAAGGAATACATAAGGAAGGTGTTGGGTGAACAATGTCAGCACATGGCTATAAATTATTATCCTCCATGTCCC
CAACCAGAACTCACCTGGCTCCCTGGCCATACGGATCCCAACGCACTCACCATTCTCCTTCAGGACATCCATGT
CGCCGGCCTCCAAGTCCTCAAATATGGGAAGTGGCTAGCGGTCAACCCCCACCCAATGCCTTTGTAATCAAT
ATAGGCGACCAATTACAGGCATTGAGCAATGGCGTGTACAAGAGCGTTTGGCACCGAGCGGTGGTCAATGTT
GAGAAGCCCAGGCTGTCGGTCGCTTCTTTTCTCTGCCCTTGCATGACGCCCTCATTACTCCTGCACCGCCCCCT
CTCCCAACCTTCTCCCATTTACAGACCTTTCACCTACGCCAGTACTACAATACTTTTTGGAGCAGAACTTGGA
TCAACAACATTGCTTGGAACATTTAAAAACCACCTCCTTAAAAAATGAATCCATTTTTTTATCCTTTAGTTAT
TACCGTTGGAATTATAGAAAAAAAAAAAAAGAATTAATAAGTTTTTTTTTAGCAAATTCCTAACAACCGCCA
TTTTATTCTACTCTCCGCTGTGTTATGATTTTCACGTACACTATATTTAAATATATCATACATTTGTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAAAACC
CCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCGGGCCCCATTCCCCCAAAGGGGGGAAAAACCCCCGCCCCGGGGG
CCTTTTTTAAACCGGGGGGGGGGAAACCGGGGGTTCCCCAATTTAATCCCCTTGAAAAACCCCCCTT
TCCCCGGGGGGGAAAAAAAGGCCCCCCCAATCCCCTCCCCAAATTTTCCCCCGGAAGGGGG
AAGGGGACCC

>trans_s_393 FJ174792|Lupinus luteus 5'-methylthioadenosine nucleosidase (MTAN) mRNA,
complete cds

ATTTTCACAAATTTTCTACCCATCAGTCGCTTGCAAGTCCCTTTGATTTTCCTTTAAATTGCTCAAAAATCTTGG
CCATTGATAGCAAAGATCACTATGGTCTTCCCAAGGAGATTCCCAGCTCTGCAGAGAATGACATGGATTCTC
AGACTCTCAGCAAGCTCCCAATTTCTATCTATCTCATCATAATCGCTATGCAGACTGAAGCGCTTCCTTTAGTGG
AGAAGTTTCAACTTTCTGAAGATCAAAAATCTGTGTTTCAAAGGAAGTTCCATGGGTTCGTTATCATGGGACT
TACAGAAATCTTCAAATCAATTTAATTTGGCCTGGAAAGGATTGAGCCTTGGGAGTTGATAGTGTGGGCACGA
TTTCCGCATCCCTTGTAACCTATGCTTCTATCCAAGCACTGCATCCAGACCTGATCATAAATGCAGGTACTGCTG
GTGGTTTTAAGGCGAAAGGAGCTAGCATTGGCGACGTGTTTCTAGTATCTGAGTGTGCCTTCATGACAGACG
TATACCTATTCCAGTTTTTGATTTATATGGAGTCGGATTGAAGCAAGCATGGAAAACGCCCAATCTCCATAAGG
AACTCGATCTAAAGGTTGGCAAATTATCAACGGGTGACTCGCTAGATATGTCTGCACAAGATGAAGCATCGAT
TGTAAGTAATGATGCCACAGTTAAAGATATGGAGGGAGCAGCAGTAGCCTATGTGGCTGATATATTCAAAGTT
CCTGCCATATTTCTAAAAGCTGTAACCGATATCGTCGATGGTGAAAAACCAACTGCCGAAGAATTCTTGCGAGA
ATCTAGCTACAGTATCTGCTGCACTGGATCAAGCAGTTACAAGAGTTGTAGATTTCTAGTGGAAGTGCAT
TCATGAACCTTTGATATTGATTGGACGTGCCAGAGTCGAATAACATCTAAGTTAGCATATATACTTTTGGAATC
ATACTGTGTACTCTTTGTTTTATTGTATGCTAAACGTGTTTCGGCTAGCCCGAGCAAACAAGTTGATGTCGCAG
GTAAGGTTTACCTCTCTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AACAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCACAAAATTTTATCAACCCCCCACCTCGGGGGG

GCCCCGGGCCCCCTTTTCCCCATATAGGGAGTCATAATACGCGCGCTCAGGGGGCCCTCTTTTCACAGCCGCGAG
AGGGAAAAACCCGTGGTTTCCCCCATCTTAACCCCTGTGCAACACCCCCCTTTTCCCCGGGGGTAAAAAAG
AAAAAACCCCCCCCCCGATCCCCCCCCCAACATTTCGCACACCCAAAGGGGAAAAGGACACGCCCCCTGAAGC
GGC

>trans_s_394 X55884|L.esculentum APS-1 mRNA for acid phosphatase

ATTCAGCTAAATTCATCATCTTCTTCGCTTAATCAACAAGGCAAATTTCCCTTCCACCAACCCTCTCACCCCTCTCC
TCCATTAATATAGCTTCAAGGAGAGGAAGAGAGGTTATTATTCTCATCTCATCTCATCTCATCAATTCCTTTTCC
TCTAATATCAATCAAGAATCATCCTTTCTTTCAAACCCAGAATATTCCTTCCAGATCTCATATACCCATTTCCCTT
TTTCTCAATCTAACTTCCTTTTCATCAATTTTTTCCAATACCCATTTCTTTATATATAATATATATATTTCGATCTCCT
TCGATTCGATTGGCCCCTGTTCTCTAAACATGGGGTTTCTACGATCTTTCTCTCTCTTTTGCTTAATTTCTGTAG
CTTTTGCTCATGAAGCTTTCGATTCTCATCTCCTTCCGAGACCACTTATTCTTGAGTTTCCTGAGGGTGTTGTGA
ATCAGGTGAAGGAACCTTGATGAAGAAATCAAATTGAGATGTGATAGTTGGAGGTTTAATGTAGAGGCTAATA
ATTTGAATCCGTGGAAAACGATTCCGGAAAATTGTTCTGAATATGTGAAACAGTATGTAACAGGTGGGGCTTA
TCAACTTGAACCTGAAATTGCTTCTAATGAGGCAGAGATTTTTGCCAAGACTGTGAAATTGGTTGGCGATGGA
AAGGATGTCTGGATTTTTGACATTGATGAGACCTTGCTTTCCAATCTTCCTTACCACACAGACCATGGTTACGG
CTCGGAGAGTTTCAAGCCTGATGAGTTTGATAACTGGGTTGAGAAGGCTACAGCACCTCCCCTTCAGCCCAGT
TTAGAACTCTATAAAGAACTTTTGGATCTAGGATTCAAGCTGGTTTTGCTTACTGGAAGGAGCGAAAAGCAGA
GGGAATCTACAACACGGAATTTGATAAATGCAGGGCTTTATGACTGGGATAGGCTCGTATTAAAGGAGAGATG
ATGACCAAGGGAAGTCAGCAATACTTTACAAATCTGAGAAGCGGAGCGAGATGGAGAACGAAGGATTACGA
ATCATCGGGAACCTCTGGTGACCAATGGAGTGATTTATTGGGCACTTCAGTTTCGGTTCGTTCTTTCAAACCTCC
AAATCCTATGTATTACATTTCTGAATATAGAGAAGGGATGCATCACATCGTCAACGTTATGGTTCATAATCAA
ACCATGGTTCAATATCTCCCAAAGAATTGTACATACGTTAAAAGATGTCTGACTTGTTGGATGTTGAATAAAA
ACACACAGTTAAGAGGATCCATACGATCTTTTAATTTATATATTAGGAACTTAGTGTTGATGATAGTTGAAACT
CCATTGTGTAAGCTCCAATATCCATTTTTATTGGATTGATAAATGATAATACTTCTAGCATTCTTG

>trans_s_395 EU849605|Solanum lycopersicum cytochrome P450-type monooxygenase 97A29
(CYP97A29) mRNA, complete cds

ATTTGGAAATGGAGTCCCTCTTCTCCCGTCTGACTTTAGATATCATTGGCAAGGCAGTTTTTAACTATGACTTTG
ATTCACCTACAAATGACGCTGGCATAGTTGAGGCTGTTTATACTGTTCTAAGAGAAGCAGAAGATCGCAGTAT
TGCACCAATTCCGGTATGGGACATTCCAATTTGGAAGGATATTTACCACGGCAAAGAAAGGTCTCGAAAGCT
CTTAAATTGATCAATGATACTCTCGATCAACTAATTGCCATATGCAAGAGGTTGGTTGATGAGGAGGAGCTGC
AGTTTCATGAGGAATACATGAATGATCAAGATCCTAGTATCCTTCATTTTCTTTTGGCATCTGGAGATGATGTC
TCGAGCAAGCAGCTTCGTGATGATTTGATGACTATGCTTATAGCTGGGCATGAAACATCTGCTGCAGTCTTAA
CATGGACCTTTTATCTTCTTTCAAAGGAGCCTAGGGTCATGGCCAAGCTCCAAGAGGAGGTTGATTCAGTGCT
CGGAGATCGTTTTCCAACAATTGAAGATATGAAGAACCTCAAAATATGCTACACGAATAATTAATGAGTCCTTG
AGGCTTTACCCACAGCCCCCAGTTTTAATACGTCGATCTGTTGATAACGATATGCTCGGGAAGTACCCATAAA
GAAGGGTGAGGACATATTCATATCTGTTTGGAACTTGCATCGCAGTCCAGAACATTGGGATGATGCTGATAAA
TTTAATCCTGAAAGGTGGCCTTTGGATGGGCCTAATCCTAATGAGACAAATCAAAATTTTCAGATATTTGCCATT
TTGGTGGGGGACCACGGAAATGTGTGGGAGACATATTTGCTTCATATGAGACTGTTGTAGCACTTGCCATGCT
TGTCCGACGATTTGACTTCCAATGGCACTTGGAGCACCTCCAGTAAAAATGACGACAGGAGCTACAATTCAC
ACGACGGATGGATTGCAAATGACAGTTACACGAAGAATGAAACCTCCAATCATATCCACTTTAGAGGTGCCTG
ATATGGTTGTTGATTCATCTGTTAGTTTCTTGAAAAATGAAACACAAGTTCAAGGAGAAGTTTCTTCTGCGCAT
TCCTAATGATACTGTAGCAATCTCATTGTGGTTGAGATTTAATTCATCATAGTAAGAAGATGCAGGAGAGAG

AGAGAGAGAGAGAGGAACCTTTAAACCGATCCTCGAGTTCCTATCTTCTGAGGATTGATGATATTTTCAATATTT
TCAATTGGTCGGATGAAGCCCAGTTTGTGAAAGTCATCAGTTGCACATAGAATGGTTTGTATATGTATAGAAA
CTATTCTTATTATTAGATATTTATAAAGATATATGTATTTCTTGTGTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_396 AY902468|Gossypium hirsutum 3-ketoacyl-CoA reductase 3 mRNA, complete cds

ACAATTAGAAAAGGGTGTATGGGAGAGATGCTGCATCATCTTTTATACAAAAGGTGATGGAAGCCATTTGTT
TCTAAAAGGAAGTAATTTTTTCATTTTATATTCAATTAAATGATCTAGTTCTTAAAATAATATTTTCCCTATACGT
TCTTACTCATCGGTTTGAATCAAGTCAAGCCAACAAATACCAAATCATCTGAGAAACCATCCCTAATCGACCCA
TTTTACATCACTGAAACCCACAGAGATTTAGCGATTTGTAGAAATCTCAAATATGTGGATTTTTGGATGGAAA
GGACCATCTGGGTTTTGAGCCCGTTCTACTGCAGAAGAAGTCACTGAAGGAATAGATGGCAATGGCCTCACTG
CTATTGTTACAGGAGCTTCAAGTGGTCTTGGTGAAGAGAGCACACGTGTCCTTGCATTACGAGGAGTCTATGT
CATTATGGCTGTTAGGAATGTTGAAGCAGGAAGAAAAGTAAAAGAAGCAGTATTGAAGGAATCCCCTTCTGC
TAAAATTGATGTCATGGAGTTAGATCTTTCTTCGATGGAATCTGTGAGGAAATTTGCAGCAGATTATATTGCAT
CAGGCCGTCCACTAAATATTCTGATGAACAATGCTGGTGTTATGGCTACTCCTTTTACGCTTTCCCATGATGGC
ATAGAACTGCAGTTTGCAACAAATCATTTAGGACATTTTCTCCTGACGAACCTTCTGCTGGAACCATGAAAAA
AACTGTGCTTGAAAGCAAAAGGGAGGGAAGAATTGTCAATCTATCATCAGAGGGTCACCGAATGGCATAACGG
TGAAGGAATTCGTTTTGATAAAATCAATAATGAAGCAGAGTACAGAACCATCTTAGCTTATGGACAATCAAAG
CTTTCCAACATATTGCACGCAAAAGAGCTTGCCAGGCGGTTAAAGGAAGAAGGGGTAGAAATAACAGCCAAT
GCTCTTCATCCTGGAGCAATTGCTACCAATCTGCTACGCTTTCATAGTACCATTAATGCTGTTACTAATTTGGTC
GCTAAATTCGTGCTTAAAAATGTCCAGCAGGGAGCAGCAACTCAGTGTTATGTAGCACTGAATCCCCAAGTGA
AAGGGGTAAGTGGAGAGTATTTTGTGATAGTAATATTGCTAACCCAACCAACATGCTAAAGATATGGATTT
AGCCAAGAACTGTGGGATTTGAGCGTGGATCTAACCAACCCAAAATAATTGAATATTCTTAAGAGAAGCCTT
TCTTATTCTTAGCTTCTTATCTCAGGCTTCATGTTACAGATACATGGCCAGTTAAATGGTTAAAGTAAATGAATT
ATTATTTGTAGTTTTTGAAGTCCCTTCAATTGAAACATAAACAGGGAGAAGACACTGTTATATATCTATAATGG
G

>trans_s_397 NM_001062549|Oryza sativa Japonica Group Os05g0511300 (Os05g0511300)
mRNA, complete cds

TACAGCGATCCAAGCCAAGTAGGACTATGGGATGCAGTTGTGACTTGTTTTTTCATCGATACTGCTCATAATAT
TATTGAATATATAGAGGTCATATCCAGAATTTTGAAAGATGGAGGAGTGTGGATAAATCTAGGGCCTCTGCTA
TACCATTTGCGAGACATGTATGGTCAAGAAGATGAAATGTCCATTGAACCAAGTCTAGAAGATGTGAAGAAAA
TTATATTGCATTACGGCTTTGTGTTTGAGAAGGAAAGGACAGTTGAGACGACATACACAACAAATCCTAGATC
GATGATGCAAAATCGATATTATGCTGCATTCTGGACTATGAGAAAAAATCAGCTACAGAGGGTATGACACAT
TAATTCCTCCACAGTACGAGTTCCTACATTTCTTATTATTTGTTTTTCTTTTGTCCGAAAATTTTCTTAGCACA
GATATTCTTTTCTTTTCTTTCTTTCTTCTGATTCTTCTTTTTTTTTTTTTAATTTTAAATTTTACTTTTAGTTTT
ATTTTTTCTGAGTGACATTCAATTTCTATCATTCAAGTAACAAATTATATTTGCATGGAGAGTTCTTAAATTTTG
GGAAGTCCTTATGAGTTGATTGTAACATTCTTCCAGTGGGTGCATCTTGAAAATATCGAATTTTAACTGTTCTC
AGTACATGTGATGTTTTGATGCTGAACCCTTCTGACTTAGAAGTTATGATGTTGGATCCCTTCACACAGATCT
ACTTTAGTGACATTGCTATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCAAACCTCAAA
AACTTATCAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCGGAACCAATCCCCCAAAAAAGAATCGAATTACACC
CGCCCACTGGCCAACGTTTTACAACGGCCAACTGAAAAACCCCGGAGTTACCCAACCTTAATCCCCTTGACCC
AAATCCCCCTTCCCAAATGGCGAAAAACAAAAAGCCCCCCCCTATCCCCCTTCCCAAATGCAAGGCC

TAAATGGAAAAAGGAACGCCCCCTGAAACAGCCCATTAAACGCGGGGGGTGTGGTGGTTACCCACAACGAG
ACCGCTACACTTGCCAGCCCCCTAACCCCCCTCCTTTCCCTTTCTTCCCTTCCTTTCTCCCCACGTTCCCCGGCTT
TCCCCTTAAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCCTTTAAGGTTCCAATTTAATGCTTTACGGCACCTCAACCCAAAA
AAATTGAATAGGGTAATGGTTCACGTATTGGGCCAACCCCTGATAAACGGTTTTTCCCCCTTT

>trans_s_398 AY070757|Arabidopsis thaliana At2g41800/T11A7.10 mRNA, complete cds

TCCCATCCATTCTTTACCCTTTTCTCTATAACCCCAACAATGGCTTCTCCTCCATTTTCATCACTCCCATTCTCA
CATTCTTCTTGCTTCTGGCTTCTTCTGCCCTTGCTGGGACAATTTTAGAAGGACTTCTAGCAAATGGGAACTTTG
AGGTGCCACCAGCAAAAACCAACTTGAAGAAAACAGTAATAATAGGCCAAAACTCTCTGCCAAGCTGGGAAA
TCAATGGCTTGGTTGAGTACATCTCAGGTGGGCTCAACCCGAGGGATGTTCTTCCCTGTAGCTCACGGTGT
CCACGCTGTAAGACTCGGCAATGAAGCTTCGATCTCTCAGATCATACAAGTGAAAAAGGGATCTCTTTATGCT
CTAACATTTGGAGCTTCAAGAACATGTGCACAAGATGAAGTTTTGTCTGTGTTGGTGCCTCCCCAGAATGGAA
GTTTGCCTCTGCAAACTCTTTACAGCAGCGATGGAGGTGATGTCTATGCCTACGGGTTTGTAGCTCCTTCGGAT
TCGGTTAAGGTGACATTCACAATCCTGGAGTTCAAGAAGATCCTGCTTGTGGACCTCTGTTGGATGCTGTTG
CCATCAAAGAGCTTGTTTCGTCCATTGCCAACAACAGTGAACTTGGTGAGAAACCCGAGCTTCGAGGTGGGTCC
TCATCGTTGGGGAACCTCCACCAATGGAGTTCCTTCTCCTCCAAGACAAGAAGATGTTACATCTCCACTTCCAG
GCTGGATCATAGAGTCCCTCAAGGCTGTAAAATTCATTGATTCAAAGCATTTCAATGTTCTGATGGAGAGGC
AGAAATCGAGCTCGTTGCAGGTAGAGAAAGTGCCGTAGCTCAAATTATTAGAACCATCCCCAACAAAGTTTAC
TCTCTAAAGTTCAAAGTTGGTGATGCCAAAAACGGATGCCATGGATCAATGATGGTGGAGGCATTTGCTGCTA
AAGAACTGTGAAAGTTCCTTTCCAGTCTGAAGGAAAAGGCCTTTACAAAGATGCCATCCTGAAGTTCACAGC
AACCTCACCTAGGACCAGAATCACATTCCTCAGTTCATACTACCACACTAGAACAGATGACTTCGGATCCCTCT
GTGGTCTGTGCTCGACGATGTTGGCGTTGCTCTTGCAAAATAGAGATAATATTTCCATTGCCTCCGGTCCGCT
ATTGAAGTATTGATTCTAAAAATGTAGACGTTGCAACGGCTGCTTGATCTATAACCTTCTTTTGTAATTAACAC
CTTTGATGAGGCTAGCTGTGTTCTTGAACATTTGCAATCCTCTTGCTCAGAATTTACTGGTTTTCTGTAGCTT
ATTCATACTATTAATGATCCTAGTTTGAATGTCNGTCATTTATATTACAAGGCTATGTATTTTTCTCC

>trans_s_399 AF069324|Mesembryanthemum crystallinum 26S proteasome regulatory subunit
S5A mRNA, complete cds

CTCCTTCAGTTCAATTACCTCCGGCTTCTGCTGCAAGAAACCTCTTCTTCTCTCCGATTCTCTCTTCTCCTTC
CTTTTCTTCTCTGTTTTCAATCTATCAACAATGGTGCTCGAGGCCACAATGATCTGTATCGATAATTCCGAATGG
ATGAGGAACGGTGATTATGCTCCTTCCAGATTCCAAGCTCAAGCTGATGCCGTCAATCTCATTTGCGGAGCTA
AAACCCAGTCTAACCCGGAGAATACAGTAGGAGTCTTACAATGGCTGGAAAGGGAGTTCGGGTTTTGGTAA
CTCCTACAAGTGATCTTGCAAGATTCTAGCGTGCATGCACGGTTTAGAGATTGGTGGAGAGACAAACTTGGC
TGCTGGGATTCAGGTGGCTCAGTTGGCTCTGAAGCATCGTCAAATAAGAAGCAGCAACAAAGAATTATTGTT
TTTGCAGGAAGTCTGCCAATCATGAAAAGAAGTTGTTGGAGATGATCGGAAAGAAATTAAGAAAGAACAAAT
GTTGCTCTAGATATTATTGACTTTGGTGAAGAAGATGATGCTAAGCCAGAGAAGCTGGAAGCCCTTCTTTCCGG
CTGTAAATAGCAATGACTCCAGTCACATTGTTACGTTCCATCAGGTCCAAATGCTCTTTCCGATGTACTTATTA
GTACTCCAATCTTCACCGGTGATGGGGAGGGAGGAAGTGATTTGTGCGAGCTGCTGCTGCAGCTTCAGCTG
GTGGGGCCGGTTTTGATTTGGTGTGGATCCCAACCTAGACCCTGAACTAGCACTTGCACTTCGAGTGTCAAT
GGAAGAGGAAAGGGCCAGACAGGAGGCAGCTGCTAAGAGGGCTGCTGAGGAGACTTCAAAGCAGGAAAAA
GGAGGGGAACAGCCATCTGGCTCACAGGATACAACTATGAGCGAACGTGCTAGTGCTGAATCTTCTGATGCT
CAGAAGACAAATGATCCAATGGAGGATGAAAATGCCCTGTTACAACAAGCCCTTGCAATGTCAATGGAAGAT
CCTGCCTCAAGTGACATTCGGGATACAGAAATGTCAGATGCAGCAATGGATCCAGAGTTAGCTCTTGCTCTTC
AGTTGTCAGTGCAGGAGGAATCTAAAGACTCAACAAACCAGCCCAGATATGAGTAAATTAAGTGGCAGACCAGT

CGTTCGTATCGTCCATTCTTGCATCGCTTCCAGGGGTTGATCCAAATGATCCATCAGTAAAAGATTTACTAGCT
TCCATGCAAAGTCAATCAAAGCCGGAGGACAAGAAGAACGAAGAAAACCCACCGAAGGAAGACGACAAGTA
ATCAAATCCATCTTCCAAAGTTGAATATCTCTGCTAGGCATTTGATTTCTCCCCATAAAAGTGTTGCATTGTGT
GTTTTGATCA

>trans_s_400 U63373|Arabidopsis thaliana polygalacturonase isoenzyme 1 beta subunit homolog
mRNA, complete cds

AACCCAACCATCCCCGATCCCCCTTCTTGCATCTTTCTCTCTCTGCTATTCTGCGCCCTACCCTCTTTTCTTT
TCCCCCAAATGGTGAGGGAAATTTGAAAATACTCTAATATTTCCACTATAAATTTCTGCACACAATTACAGCC
GCACACCAACATTCTCAAATCTCACCCCCTCCCTCTTCTAGCTGGAATACAAACTAAAATACAAACAAAATCA
AAAGTAAATGCACAGATTACCCACGCTCCATGTGGTTCCCTCTATCTCTTTATCTTCTCGCTTTCAGCTCTCAAT
GTTCTGTCAGTCGGCGACGAGGATAACCCCTTTACCCCAAAGCTTTTCTGAATCGTTATTGGAACAAGGAGG
TGCGGAACGATATCCCAAACCCAGTTTTCTTCTCTCCAAGGCGTCTCCCTTGACGGCAGTGCAGTCCGCGGGC
TTCGCCAAGCTCGCAGCCGAAAATGCTCTCTCTCTCGCCTCCCCGACTTCTGCTCCGCCGCAAACCTTGCTCTGT
TTTCTGATTTATCCCCTTCTTTGGCCAAACACGACAGAGACTCCAACCTTGCCGTCTATTCCAATAAGAACTTC
ACCACTTACGGCACCCCAAAGATCTGGTGGAATCGACTCCTTCAAGAACTATTCCAATGGTGACAATGTCGTCTG
TCGATTCCTTCAGGCGCTACAGCCACGAGGCCTTGGGCCACACCGACAGATTTTCCACCTACGGCACCGAAAC
CAACGTCCCCGACCAGAGCTTTAACACTTATGCCTCCAAAGCCATCGGAGGGGACGGCAAGTTCACAACCTAC
GAACAATCCGTCAATGTCCCAAATCTCCGTTTACCACCTACTCCTCCGATGCCACCGGAAGATCTCAAGCCTT
CAAAAGCTACAGCGAGAACGCAAACGCTGGAGATCAGTCGTTTGTCAACTATGGGAAACGTGGAAATGGGG
GTCCGAACGAGTTCACTGGATACGGGACCAGCGCAAACGTCGTAGGCTCACAGTTTTCCAGTTACGGGACAG
ATGGAAATGGGGCCAACGACACCTTCACCAATTACGGCAACGATCAGAACAACCCACAGAATAACTTCAGGA
GCTATGGCGAGGGTGGGAATGGAGCGATTGAAAGCTTTTCTAGTTACCGGGACCAGGCCAATGTGGGGGAC
GATTCGTTCCAGTCCTACTCCAAGAACTCGAACTCTGCCAAGGTCAATTCGCAAGTTACGGGAAATCCTCTAA
AGCCACCATAACCACGGAGTTGCTATCTGTCACCTGGACACCTCCGCCTGGAGCCCCGCTCACGGGGCCTTCA
TAGCTCTCGGCTCCGCTCCCGGTCGGGTCTGAAGTGTGCCACTGGATCTTCGAGAACGACATGACGTGGACT

>trans_s_401 NM_117871|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT4G17620) mRNA,
complete cds

AGTCATATTCCACTGAAAGCCCGTTCACTCCTCTTCTTCCCTCCCATCATAATTCCACCTCTTTTCTTCTCATAATC
TGATCGGAACCATCGCAATTCGCTGCCCCGATTGCCGGGTTTCATCCCTCCAATGGATTTCCCCGAGCAAGAT
GTAGATATATTGGCGAAGAGTATGGAAACGACGACGACGACAACAACAACCACAACGACACGACCATGAC
CGCGATGCTCCTGCCTCATCTTCGCAATCTTCTTCTCTCGGATTCTTCTCTTCTCAGATTCTCATCGTCTAA
TGCTAGCGATGGAGGCGATAGCAGTAGTAGTGGGAGTGCGAGTAGTGCTGAAGAAGACGACCAGGAAAAC
GGCGGGGAAGTACAGCAAAATGTGCACAGGGGTTCTTATGGGTATGAAGATAGAGATCTGTTTGGTTCTGAT
AACGAGGATTATTGTAAGACACTTGCTGTTAGTCCTTTTTCAGTTCAGTCTTACCTGCAATAAGGAATAACGA
CCACCATGCTAGAGGAACATTTGGTCGAGGTCGTTGGGGGAATCAGAATGATAGAGGATCAGGCCTCCTTCC
ACGGCCTGGACCTTATCCTCAAAGGCATGGCTTTGGTGGCTATGGATCAAAGTTTTCAAACGGCCGTCATCAT
GATGAACGCTTCGTCTCAGATATGAAGCTTACTAAAAGTGAAGAAACACTGGCGAGAAAGTGATTGCTTTCC
AGGAGCCTTGTGAGCTTGCTTGTATAGCCGTGTAGAAGGTGGAGATGTCTACTTTGATGACCGTAGTTTGAG
ACTGTTTAAGCGCTTTATTACTGAGGATATTGGAGCTGATTTGAATGAAGGTTTTGACACTTTTATTGAAAAGA
AAGACTTAGGTTCTCAGGGTTTTGGTGACCTCCTTGGCTGCATTAGGGACAAAAACATCCCTCTTCAGAATATT
CATTTTGTGACTTTCCGCAACAATCTTAACAAGATATTGGCTACTGCTTACATTCGTCATGAGCCATGGGAAAT
GGGTGTGCATAAAAGAAATGGTGTTGTATACCTAGATGTTCAATAACTACCAGAAAGACCACAAAGTGAAAT

GGAGCGTAGAAGGTGCTATTGGGGTACTGTTTTGAGAACCTTGCTACCGAGGATCCTAGAAGAGGTAATGG
AGAAGGGATCCATCATGTGGATGCAAATGCTGAATATTGTGCCGTGATTAACAAAGTTAGGTGCTCATCGC
ATTCTGATGGGTGCTGAAATGGATTGCTGCGATTCACTGATGAGGGAAGGAGGTTTTATGTTGAACTAAAG
ACAAGTCGTGAGTTGGATCAGCGTACTGAAGAAAGATATGAAAGAGAGAAGTTGCTTAAATTCTGGATACAA
TCGTTC

>trans_s_402 FJ805314|Heptacodium miconioides DIV2B (DIV2B) mRNA, complete cds

TCTTCCTCAATCTTCATCACTGCACTCAAGATTTCCACCATGTGAGCACACACAAAGAACTTCGAACCTTCTTCTT
TTACCTTACCTTTCCGGCTTCAACTTGCTCTTTCCCTTTCTCCCCTCTCTCACTCCTCTCAAATCCAATTCTTTCCCGC
CTTTACATCATCATTACCCCCCTTTCTTTTTCTCACTATTCTCGAATCCCTTCTCATCTTCTTCCACTGCATTTTT
CTATTCATTTCTTACTTCAATTTGCTTGGTGGGTTTCAATCTGAGTGTTGAAATTCACCCGATTTTCCCATTA
CAAATGGGAGAAAAAGAAAAAGAAAAAACCACAAAAATAAATGAGCTCAGGGGGTGGTTTAGTTGTT
TTTTTGCATTTTTTTCATTTTCCCCCATGATTCTTTTCGATTCTGAAAAGTGGGTTTCTCTCCTTTTTTTTTAAAG
ATTCTTTAGCCATTTGTGAAAGGGAGATTCTTGATTCTCATGTAATGATTCCGAATTAAGCGCCCCCTTTTGA
AAATCACTCAAAAAGCTTCAATGTCTCTTGGCCTTTAGCCTCTGTATCCGTCCCCTTCTCCTTCTTTCCCTTTCT
TTTGACTTCAAAATCAAAACCCCTTTTGAATGGACTTATAAATGAGCTGTTAAGGCACACCTTCAAAAATT
AGCTCCTCATAGACACTACCAATGGAAACCCTGTATCCATCTTCACATCTCTCGAGCTCTGCTTGGTTTGTGCTT
GATAATCCAAGCACAAAGTGGACTAAAGAAGAGACAAGATGTTTGAGAGTGCTCTTGCTATATACGATAAA
GAAACACCTGATAGATGGTTCAAAGTAGCTGCTATGATCCCTGGAAAACTGTGAGTGATGTGATTAAGCAAT
ATAAGGAGCTTGAAGAAGATGTTTGTGAAATAGAAGCTGGGAGATTCCCAATCCCAGGTTATGATCTTGCCTC
TTCTTTTTCATTTGAGTTTGTGATGATCGAAATTCGATGTGTATAGAAGGAAATCTTCTGTTGGTAGGGCT
CTGATCATGAAAGGAAGAAAGGGGTCCCATGGACAGAGGAAGAACAAGCAATTTCTACGGGGACTTTTGA
AGTATGGAAAAGGGGATTGGAGAAACATCTCAAGAACTTTGTGAACTCCAAAACCTCTACACAAGTGGCAA
GCCATGCTCAAAAGTACTTCATGAGGCAGCTTTAGGAGGGAAAGACAAGAGAAGGCCAAGCATCCATGATA
TCACGACTGTTAATCTCACAGAGCCCACAGCATCAGAGAATGAGAAGTTATCTTCAATGGATCAATTTTCAA
GCTTCCTTCACTGCAGAAGTCACCTTGCTATCAAAAGCTTTGTTTGACTGGAACCG

>trans_s_403 NM_119094|Arabidopsis thaliana aminopeptidase/ manganese ion binding
(AT4G29490) mRNA, complete cds

TCAACTCTGAAGCCACACTCCCATGGCTTCGCCTTCACTTCTCACTCCTCCGCCGGTCCCGGTGGAGCTTTACG
TCACCAATAGACAAAAGCTACTTAAATCCTTCGCCAACACCTTTCCGACTCCGCCCGTCTCTCCAAGGCATA
GTGTTGCTTCAGGGAGGTGATGAACGGACGCGCTACGATACGGACCATCTCGAACTCTTCAGGCAAGAGAGT
TATTTTGCTTATCTGTTTGGAGTCATAGAGCCTGGATTTTATGGTGCTATTGACATTGCTAGTGGAAGTCAAT
TCTGTTTGGCCCAAGCTACCTCCTGACTATGCTGTCTGGTCGGGAGAAATAAAGCCTTTGTCATATTTCAAGG
AAAAATATGATGTCAGTATGGCATATCATACCGATGAAATTGCAGCTGTTTTGCACAACTATACCCAGAATTG
GAGAAACCGTTACTATTCTCTTACATGGGTTGAATACTGATAGCAAGAATTATGCAGTACCAGCAAATTTTGA
GGGGATCGATACATTTGTAAGTATTTGAATACCTTGATCCTATTTTACTGAATGTCGTGTCTTGAAATCGG
AACTGGAGCTTGCTCTTATTCAATTTGCCAATGATGTTAGCTCAGAAGCTCATGTTTCAAGTTATGAGAAATATC
AAGGTGGGCATGAAAGAATATCAACTGGAAAGCTTATTTCTTACCACACTTACATGTATGGTGGATGTAGGC
ACTGCTCGTACACCTGCATTTGTGCCACTGGAGATAATAGTGCCGTTCTTCACTATGGACATGCAGCAGCTCCA
AATGACAGAACTTTGGGAAGATGGTGACATTGCTTTGTTGATATGGGAGCAGAATACCAATTTTATGGATCT
GACATTACTTGTTTATTCCCTGTGAATGGTAAATTTACAAGTGACCAGTCGCTGATATATAATGCTGTCCTCAA
GGCTCATGATGCTGTTATATCAGTTATGAAACCTGGAATAAAGTGGGTTGAAATGCACAAATTAGCCGAGAAG
ATTATTCTTGAGTCATTGACTGAGGGTCTGTGCTCGTTGGAGATGTAATGGACATGATGGCTGAGCGTCTCG

GGGCTGTTTTCATGCCACATGGTTTGGGACATTTCTTGGTATCGATACTCATGATCCTGGAGGTTTCTTGACG
GGTTTGAAAGGCCGGAAGGACCGGGCTAAATTCTTTACGCACAGTTCGAGATCTTAAAGAAGGAATGGTC
ATCACTGTAGAGCCTGGATGCTACTTCATTGATGCATTACTAGACCCGGCCATGGAGAATAGTAAACCTCCA
AATTTTTCAACGTAGAAGCAGTCAACAGATTTAGAGGGTTCGGCGGTGTTCAATTGAAAGTGATTGTC

>trans_s_404 EF672639|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 13 (FLA13)
mRNA, complete cds

CTCCTCCTTCTCTGTTTCTTTTACCCTTTCCCATGGCGCCTTCCAAATCTTCTCCTCTTCTCGCCTTCGCC
GCTACTGCAGCCATCGTCTCCGCCCCACAATATTACCGACATGCTCAAAGACTACCCTCAGTACAGCGTTTTAG
CAATTATCTCCAACAAACCAGACTCGCCGACGAAATCAACAGCCGTCAGACCATCACCGTCTCTCGTCTCTA
ATGGCGCTCTCTCTCCCATCCTCGACAAACATCCTCTCTCCGTTATCAAAAATATCCTCAGTCTCCACATCGTCTT
GGACTACTACGATCCCGCGAAACTCCACAAGATCTCCAACGGGACCCTCTCTCACTACGCTCTACCAAACCA
CAGGTCATGCGCCAGGAAATCTAGGTTTCGTCAACATTACCGATCTCCAAGGCGGTAAGGTCGATTTCGGCTC
CGCCTTACCCGGATCTAAACTTGAATCGAGTTACACGAAGTCGGTTGTGAGTATGCCATACAACATTTTCGGTTA
TTGAGATCAGCGCACCGATTGTAGCGCAGGGGATTTTGACAGCTCCGGCTCCCTCGGCTTCCGATGTTAACAT
AACGGCTTTGCTCGAGAAAGCTGGATGTAAGACGTTTGCCTCGCTGATTGTTTCTAGCGGTGTGATTAAGACT
TACGAATCCGCGGTTGAGAAAGGATTGACTATTTTTGCGCCGAACGATGAGGCGTTTAAAGCCGATGGAGTT
CCAGATCTGAGTAAGCTTACTAATGCTGAGGTTGTTTCGCTTCTTCTATACCATGCTCTGCCTGGGTACACTCCA
ATCGGCACATTGAAGACGACTAATGATCCACTCAATACTCTGGCTACTGGAAGTGCCGGACAGTTCGACATTA
CCACGACTACTGACGGAGATGCCGTTACTCTCCACACCGGGGTTGGACCATCGAGAATCGCCGATACAGTCCT
GGACTCGACTCCACTCGCTATTTTCAGCGTCGACAGTCTGTTACTCCCTCGGAGTTGTTTGAAAGTCTCCTTC
TCCGGCGCCAGCACCAGAGCCAGTGAGTTCGCCTTCTCCGACGCCGTCTCTTGCTCCGAGTCCAAGCCCTAGC
GCGAAGGCTCCGTCTCCGATCGCGGCGTCGCCACCTGCTCTCCATCCAACGCGACGGAGGGTTCTCCAGCAA
ATGCGCCTACTGCGGAGGCGCAGACTAGCACTCCGGGAAGTTCGCCGCGCGGGGTGAAAGCTTCGGGTATG
GAGGTTGTTGCCGCCATTGCTGCTAGGATTGCTTCTCCTCTTTTATTGTCCTAAATCGAAGTTTTCCCTCGCATC
AGCAGTTTCCTTATTTTAGTTTTAATTTAATTTTATCTATTGTACTTCTTATTGATATGAATT

>trans_s_405 NM_001068010|Oryza sativa Japonica Group Os08g0295300 (Os08g0295300)
mRNA, complete cds

TCCATAAATTGCAATCCATGGGTTCTGCAAACGCGTGAGCATGTGTGATATTCTTCAGTATGAATTTCTTCAC
ATATTTTGGCAGAGTGAATTAATCGTCCCATATATGGCCATGGAATGCTTGGTTTGAGCTCATTTTTAAATTATT
GGACAGATAGAGAAGCAGGAATTTGGATTGAAACCAATGAATTGTCCTGGTCACTGTTTGATGTTCCAGCATA
GAGTTCGTTTCATATAGGGAACCTCCTCTTCGATTGGCTGATTTTGGGGTTCTGCATCGCAATGAGGCTAGTGG
GGCATTGACTGGATTGACTCGTGTGAGAAGGTTTCAACAGGATGACGCTCACATTTTTGCAGGGAGTCCAG
ATAAAAGATGAAGTAAGGGCCGTCTTAGAATTCATCAAATATGCTTATAACATTTTTGGGTTTACATTTGAGCT
GAAGCTATCTACGAGGCCTGAGAAATACCTTGGTGATTTGGAAACGTGGGAGAAGGCTGAAGCTGCACTTAC
AGAAGCACTGAATGAATTTGGGAAACCCTGGCAGATCGATGAAGGTGATGGTGATTTTATGGACCAAAGAT
AGATATTAGTGTATCTGATGCATTGAAAAGGAAATTTAGTGTGCAACCCTCCAGCTGGACTTCCAACCTCCGA
CACGTTTTGAATTGTATTACTCTGCAGAGGACGAGGCTAAGAGGGAACGCCAGTTATGATTCACAGAGCTAT
CTTAGGTTCTGTGAGCGGATGTTTGCTATTTTGTGGAGCACTACAAGGGGAAGTGGCCTTTTTGGCTCAGT
CCACGTCAAGCAATTGTTGCCCTGTATCAGAGAAATCCAGTCCTATGCAATGAAGGTGCGTGATCTAATTCA
TCATGCAGGTTATTTTGTGATGTGGATGTGACAGACAGAAAGATCCAGAAGAAAGTACGAGAAGCACAGTT
GGCACAATATAACTACATACTGGTTGTTGGTGAGGAGGAGGCCAACACTGGACAGGTGAGTGTTTCGAGTGAG
AGATAAGGCTGATCATTAGTGATGAGTGTTGAGAGCTTGCTCAACCCTTCAAGGAAGAAGTTGCAGCTTTT

CATTAATAAAATTTATTTCCGAGGCCAAACAAAGGCCGTAACACCAAATTTATTTAGGTTAATCGATTTTTCTTT
TTAAACAATACAGAGGGTGATTTTTCAAGGGGAACTCGATCCTTACAAATTCGCATGGGTAAGTTTGAGTTTG
TATTGCTTTTCAGTAGTTTTTCCCTCAAATCATCAATACTGTTAAGGGCAAAACCTACATTTTCATGAAACAA
TGTAACAAACAGCTTCTGAACTTATTAATTTCAACGAAATTCAAATCCTAATAACAAATGCAGTTACTA

>trans_s_406 AJ971811| Pisum sativum mRNA for SNF1-related protein kinase regulatory beta
subunit 1 (akin beta1 gene)

TCTTCTTCATCTTCCCAAAATCAACAAACCCACACAAATTCTTAATTTAGGGATTGGGATTTGGAATATTAAAAA
TTTCCCAATCCAATTATTACTTTTCCAAGTAATTTCTGTTTGAATGTTGATTACTATACGATCCTCCGTCAGGTGG
ATTTCCGCTTCTTTTTTGATTTAAGTTGATGGGTAATGCCAATGGTAGGGAGCAGAGCACTCCCGGAGCACCA
GCTGCCGGAGGAAGAGCTGACGTCGATGCGCAAAGTCCGGCAATTAGTTCGGTAACAGTGAACTAGTAAC
GTTGTTTCTTCAGATTCGATGGGAAATACTCCTCCTCATAGCCCTGGGAAGTTCGGATCCCCGATCTTGTCGCT
CCCCAGATTCCAGTGGCTCCCTTGCAAGGAGGTAATGGTCCAACCCATTACAATGGAGCCTGGCAGAACGAAT
TTGATGGAGCAATAGATAGTCTCCAGAGCAAGGAATCCCAACAATCATCACGTGGAGCTATGGAGGCAGTA
ATGTTGCCGTTGAGGGGTCTTGGGATAACTGGGCTTCCAGGAAGACCCTGCAGAGGACTGGCAAAGATTTTT
CGCTACTTATGGTCCTTCCATCTGGAGTATATCATTATAAGTTCATTGTGCGATGGTCAACGAAGATATATTCCA
GATCTTCTTTTATAGCTGATGAGATGGGCAATGTCTTAATCTTCTCAATGTTTCTGATAGTGTGCTGATATT
CTACAGAGTGTGGCCGAGTTCGAGCCTCCACAATCACCAGAGACAATTACAGCCAGACATTCCCCACCGAGG
AAGACTTCGCCAAGGAACCAGCAGCTGTACCATCGCAGCTCCACCTCACAGTTCTCGGCATGGAGAACGCAG
ATGAAGCTTCATCTCAAACTCTCAACACGTTGTGCTTAACCACCTTTTTATAGAGAAAAGGATGGGCTTCTCA
GTCTGTGGTTGCTTTGGGACTTACTCATAGGTTCCATTCAAAATATGTCACCGTTGCTCTACAAACCACTCAA
CAGGTAGTTATTGTGCTGATTCTTCGCACTGAACGTTGTAAAGGATAACGAGCTACTACACCCTCCATCGTCTGTG
GAGGAGTGTTGTTTTATAGAACTGCCTTTTGGCTAAAGTTTGCTAGCAACAAAATAACTCTTATTCTGATCAAT
ATTTCTTCAATCTGTGAAGAAATGTTTGTGTTTATAGAACTGCTTGGCCAAAAAAGTTATATTGCCTTTTCTCTAA
TTATATCAATAGCTAGTAGATTTTGATAGATCTAAGTGGGGAAGTCTTGGACTGAGCTTATCGGTCTTGGCATT
CTTGTCTGCTACGTTTGACAAATTATTTTGGTTCTGATTTTAGATTGGATTATTAATAA

>trans_s_407 AF213968| Nicotiana tabacum S-adenosyl-L-methionine Mg-protoporphyrin IX
methyltransferase (Chl M) mRNA, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

TGGGGTTGCGCCTTAGCCACTCCTCATCACAGTTTACACGCAGCCTCACATACTTCTCCCTGCCACCGCCGCT
CGGAAGGAGCAGTTATTCGGTAACCATGTCTCACTCTGCATCTCGATATCTCACACTTTGCTTCCACCCCGATT
TACCTCAAATCTAGATTCTTCTTATCTCCAACACCTATCAAGCTCATTAAATTTTCAAGAACGCTCAATCTTAAT
GTCTCTGCTGTAGCTACTGAACTTCCCATCGTCGACGGAGCAACAATTGCAGCCATCGCGCGCGGTTTCGGTTG
CCGCGCTGGCTGCCGTTCTATCTTGACCGATCCGGAGAGACGCCGCCGCTGCAGGCCGAAGAGGTGGGTG
GTGGCGACAAGGATGTGGTGAAGGAATACTTTAACAATTCGGGGTTTCAGAGGTGGAAGAAAATCTATGGA
GAGACGGATGATGTGAACCGGGTGCAGCGAGACATTAGGTTGGGTCACTCCAAGACGGTGGAGAATGTGAT
GGCGATGTTGAAAGATGAGGGCCCACTGAGAGGAGTAACAGTGTGCGATGCCGGCTGTGGAACCGGTAGCT
TATCTATCCCCTAGCCAAGGAAGGTGCGAAAGTCTTCGCTAGCGATATTTCTGCTGCTATGGTCGCGGAGGC
CGAAAAACAAGGCAAAAGAAGAGGTTAAGGGAGGCGTGATGCCAAAATTTGAAGTGAAAGATTTGGAGAGCT
TGGAAGGGAAATACGATACGGTGGTATGTCTAGATGTTTTAATACACTACCCCAAGCAAGGCAGACGGAA
TGATTGCGCACCTTGATCCCTAGCTGAAAAGCGTTTAATCATAAGCTTTCGCCAAAAACATTTTACTACGAT
TTGTTGAAGAGGGTGGGAGAGTTGTTCCCGGACCTTCAAAGGCAACTAGGGCATATTTGCACTCTGAGGCT
GACGTCGAAACTGCATTGCGGAGGGTTGGCTGGAAAATAAGGAAGAGAGGTCTAATCTCTACACAGTTTTAC
TTTGCCACATTGGTTGAGGCAGTTCCTGCTTGACAATTCACACCTGTCTCCGTTGCATTTCACTTTTGAC

TCTTCCTCCACCCGCCCTCCTTCTTTATGCCAATGTTTTACTTACAATGCTTCCTAAATAGAGTGTCAACATTAT
CTTATGTATGCTAATGGATTCCACTTTATATTAATCTAAACTCCGATGCTTAAGTTCTCTTTTTTAAGAAAGAGG
ATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTATCAAAACCCCCAACCCCC

>trans_s_408 AF527943|Gossypium hirsutum class VII chitinase precursor (Chia7) mRNA,
complete cds

GAAGCTGAAAGAGACGCTCGATCTAACCTCTCTCTTTAACGCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTTCTTCTTCTT
TCCCCATTTTCCCATTTGCAAGTTTCAGACAAACACCTTCTCAGATCTGTCCAATCCCTGCGGCCATTTTCAGTG
GGGAGAGGTGAAAATGGCTTTGAATCACTCGCTTCTGATGATACTGGCGCTGATTGTAATGGCGTCTTTTGTG
AGTGGGGATGAACCCCGATTAAGCCGAAGGTTAAGGTTGTGAAGGGGAAGAGGCTTTCGATAGAGGATG
GGAGTGCAGTTGGTCTACTTATTGTTGTAATTTGACCATTACCGACTACTTTGAAACCTATCAATTTGAGAATCT
TTTCGCTAAGCGTAACCTCGCCGGTGGCTCATGCCGTGGGTTTCTGGGATTTTCATTCTTCTCATTCTCGCCGCCG
CCAGTTTCGAGCCGCTCGGATTTGGAACAACCTGGAGATAAGAAGATGCAGATGAAAGAGCTTGCTGCTTTCTT
GGGCCATGTTGGCTCTAAGACCTCTTGTGGTGATGGAGTTGTCACGGGAGGGCCACTTGCTTGGGGACTCTG
TTTCAACAAGGAAATGAGTCCAAGCCAGGACTATTGCGATGACTACTTCAAGCTCATTATCCTTGTGCTCCTG
GTGCTCAATATTATGGCCGTGGTGCTCTGCCATTTACTGGAATTACAATTACGGCAAGATTGGGGATGCATT
GAAGATTGACCTGTTGAATCATCCTGAATATGTTGAGCAGAATGCTACCATTGGATTTCAAACCTGCAATGTGG
ATGTGGATGAACCCAGTCAGGAAGTCACAGCCTTCACCCCATGATGTCTTTGTTGGCAATTGGAAGCCAACCA
AGAACGACACCTTGTCAAAAGGGTTCTGGTTTCGGCGCAACCATGAATATTCTCTATGGTGATTCCATCTGT
GGGAAGGGTGATATTGACCCCATGAACAACATTATCTCTCATTACCAATATTACCTCGATCTGATGGGTCTCGG
TCGTGATGAGTCTGGGACTCATGACACACTTTTCATGTGCCGAGCAGGTCCCGTTTAATCCAACCTTCGTCCCCC
CAGCTTCATCTTCTTGAGATTTTCATCCACCATTTGTGGCTTCCAAACATCAAGAATTTCCATTAGCCCAAGTAAGA
ACCAAGACATCCTTATACAATTATTTAAAGTGTGCAGTAAATTAGTTGAACGATCAGTATGTTTGTATTGAATA
ATCTGTATTCTTTTTCTCCATATTTATACTACTAGGATTCTGTGTTTCTGAGATGTCAAAGAATCGCTTCGTATG
TAATATATCTGTATTACTGTGAAACAATTTGGTTTCTTGATCGACATTTATGTTGCCGA

>trans_s_409 NM_112160|Arabidopsis thaliana EMB2769 (EMBRYO DEFECTIVE 2769) (EMB2769)
mRNA, complete cds

GCCTTTTGCCCCCTCCCATTTTTTGCGTTCCCTTTGTTTTTACCCCCCCCCCCCCCTTTATTCCCCCTCCCG
GGGCCTTCCCCTTTCCCCTTTGGCTTTCCCATTTTTGGAAGGGCCATTGGGGGGGGCCTTTTTTTTTTTTCCC
CCCCTTCTAAAAGGGGGTTCTCCCCAGGGGATTTTTTTGGTTACCCCCGTTTTTCCCCCCCCGGTTTTTTT
AAACCCCCCCCCGTTACCCCCCTTTTTTCCCCCCCCCTTTGGGGGAATTTGGTTCCCGCCCCCCCCCTTGGGTTCC
CCTTTTCTTTTTTTTTTTGGGGCCCGGTTCTCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTAATATTCATTTCGTTCAATCCCTTGACTTCATCCAATTCAGAAGACAAACTAAAACATTCAAGTGATATTTAG
TCTGTTCAATGCATTATCATACATATGTGTTTCATCTTGATAACCATGTTACTTCATGTACTTCTGCAAGAATTT
CGGTGGAAGTCATTCTAATTGTATCATTTATGAAGCGCTTAGGTGTCTTTGATTCGCCACGAGCCTGATTCTT
GAACACAACATCATCATCCCATCTTCTTTGACGCTAAAAGAGGAGGGCTGCTCATTAAAGCAGTGGATTTCTC
GGAGTAATTCTGCTTCCTTGACTTTAAGCTCTTCTCCCGCTCTTGCTTTCTTCCGAAGCTTTTCTCTGCTCTT
TCCTTCTTTATTTGTTCCAGCTCAGCCAAAAGAGCTTCAGTATCATCTCATCATCATCGTCGTCATCATCACTCT
CATCATCACTTTTGACATCCACATCAGAATCATCAGCGTCTAAACTTCGTGGTATAATACGATCTTCAATATCTC
TCTTCCACCTTCTAACAGAAGTTGGCTTCTTTCTATGATCTCTATCATCATATGACTTGTTTTTTGATGAAAA
ATGCCTCCTTTCACGATCTTCTAACTCATCCCTGAGATTCTCCTCTGCAATTCGTCATGGGTATCTTGTCTCTCC

TTTCTGGGTTTCAAGGTCGTATGAGAAGCGATGTCTCTGGACGAATATTTCTGCGATGGGCCGAAAATTCGAG
TACCACCTTGCTCGTTTCCACCTTAGCGGGTGCCCATGTGGGTGCGAGCTGCAGTAGTCATCTCTAAATTGTTT
CCTCGTCGCCTCGACCTTCAAATACTCAGAAGTTTAATTTCAAACCTGATTGATGATCTGTGTGCGAATTTGGA
AGGCCGAAGGAAGAGAAAAATCGT

>trans_s_410 NM_121974|Arabidopsis thaliana STT3A (STAUROSPORIN AND TEMPERATURE
SENSITIVE 3-LIKE A); oligosaccharyl transferase (STT3A) mRNA, complete cds

CAAAAGAACAACCTCTATTAGTCCAACTTGCTCTTAATAGCACTTAAAATAGGCTACTATCTTTATTGCTTCTT
GCTTTCCTTGCTCTCCATTCTCCAACAATATTTATTTACTGATTTGGTTTTCTGGTTTACGGGGTGTTGTAGGTT
CATTGTGTCTGGGCAGCAGCAGAAGCTTATTCAGCCCCTTCTATTGTTTTAACTTCTCACTCCCGGGATGGTCTC
CATGTTTTTGTATGACTTTAGAGAAGCTTATGCATGGTTAAGCCACAACACTGAGGTTGATGATAAAGTTGCATC
ATGGTGGGACTATGGCTATCAAACCTACTGCTATGGCTAATCGTACTGTCATTGTGACAACAACACCTGGAAC
AATACCCACATTGCAACTGTTGGTACTGCTATGTCTTCTCCTGAAAAGGCAGCCTGGGAAAATTTCAACTCCCT
GGATGTAAAATATGTGCTTGTGTCTTTGGAGGTCTTGTGGATACCCAAGTGATGACATCAACAAGTTCTTGT
GGATGGTTCGTATAGGAGGTGGTGTATTTCTCATATCAAGGAACCGGATTACTTAAGAGATGGTCAGTATCG
CATTGATTCTCAGGCCACTCCAACGATGCTAAATTGTCTCATGTACAACTCTCGTACTACAGGTTCTGGGAGA
CTGATGGTAAAGGATTTGATAGGGTGAGGCAGACAGAAATTGGGAAGAAATATTTTAACTTTACATTTTGA
AGAGGTCTTCACCACTCACCATTGGATGGTAAGAATCTACAAGTTGAAACCTCCAAAGAACAGAATCAGAGG
GAAAACCAAAAAATCAAAGACAAAATCCAGCTCAACTACCAAGTTTGAAAAGAAAAGGAACAAAAAAGAGAAA
TCCATGGCACTGAATGATCAGCTGACGAGAATGGGATAACGTTCAAAAAGCATGTAAGCTACATATATAATTG
ACAACCATGGCAGGTACCTTTGAGGCATAGTGATAATTTTCTTGCGGACAGCGAAATTTTGAGTCTTATCATA
TATTTTTCATTTCTATATGCCACATCTAAACAGGATCTAATTGAAATATCAGGCTGATAGATCTTTTCACGCA
CTTTTCTGGGGTGTTTATTCATCAAATTTCTCATCTCTTAAATGTCAATTAACCTACGAAGTTTCGATTCTGCCTA
GATAGGTAAGCCTAACGAGAACAATTTCTATGAGTGATAAGTTTTTCTTTCATTTAGGCTGGAAATTTCCATT
CTCTTTTCTGTTCCACGACTTAATTTTGTGCAATATATATAAAAAACAATAGATTCTGTGTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_411 AY039605|Arabidopsis thaliana AT3g50910/F18B3_190 mRNA, complete cds

AAATGATGCAAAATTGACTGAGGGTGCTTCTGTCACTGTTACCACACCTATTCCAGACAAACATGGAGACAGA
AATGGTCTAGATTGTGCTAGTAGTAGTAATATTGGTGAAATGGGTGTGTTGATGGTGATCATGGTGCTACAG
CCGTTCAACTTGTAAGCAGTCACAACAATCATGAAAGCAGTATACTGACAAGTAGTGGTATTGCTCAGGAAAA
GGATTCATTGAAGGTTGTGTCAAATTCAGAAAGTACTGGAGATAATGAAGACTTCTTTGATCCACACGATTCTT
TGAGTGTTGCAAGTAACACGGATGGAGAGGATAACGGTTTTGAACGTTCAAGTTTGGTACTCCTATGG
GTGAATTTTATGATGCTTGGAAGAGCTTTCCTCTGAAGGGTGCCACAACCATCCATTCTGATATTGAACCC
GATCAACGTGAAATGAGACTATTGATGGAAATAGAGAAACGAAAGCAGGCCGAGGAAGCACTGAATAAATT
GCAGTGCCAGTGGCAGAGGCTCAGAGAACAGCTATTGCTTGATAGGATTGACCCTTCCTTCAGATCCACAGTA
GCCACAGAAGGGAAGCAGTTAGATCCTGACCCTGCTGAAGAATTGTGCCAACAAGTTAATCTTGCCAGGTTG
TGTCAGAATCTATTGGGAAGGGTATAGCGAGGGCAGAGGTGGAGGCTGAGATGGAGGCACAGCTTGAAGTC
AAGAATTTTGAATCGCTCGATTGCTGGACCGGCTCCATTACTATGAGGCAGTGAATCATGAAATGTCCCAGA
GGAATCAAGAAGCTGTAGATTTGGCACGGCGCGAAAGGTTGAGAAGGAAAAGGAGGCAGAGATGGATCTG
GGGTTCAAGTTGCCACTGCAATCACACTTGGCACTGCAGTCTTAGCTTGGTCTTACCTTCATCAGGAAAAGATT
TGCCATCCAGCAACAATTCGAAGGCCGAGCATGACGATGTAACAGATTGATAACCGCTGACACAAGACTTAGC
TTATGTACCGTGTTATAGAAAGGAAAAATAAAAGGAGCTATACAGCCAATCATACATGTGGTGTAATGTTGAT
ATCAAATGTTGCGTTTGTGAGAAGTATTCTCATCCCCAAGGTATAGCTCTTATAAATTGTCGGCCCTATAATTT

AAAGGTGAAAGGGGTTGATTCTTGATATTCTTTCTTATTTTTCCAGATCTAACAGGGGTTATAACACCTGAA
ATTTTGGCAATGTCATGCAATGAATGATATACAGACTGTTTACTACTAACTGTAGTTGAAATATTTCTTTGAGC
ATCAAATATTTGAAGAGAGGGGCTTGAACTCTCTAATGAAGTCTTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_412 U64922|Nicotiana tabacum geranylgeranylated protein NTGP1 mRNA, complete cds

AATCTCCATTTTGCCTCCCAATAGTGAGCGGCGTGTGCGGCGTTGGCATTGGCACATTGCGATTGCGTTACATT
CCCATTTCTTTCCCACTCAAAAGAATCATAAGATCCCATTTTTTCACAAAATTACGAATTTGTTTTGTTTTCT
TACGATTTCTCAACCCTTTTACAGAGACAAATTAGAGGAAGGGAAAAAGGGGAATTTGAGTTCTTTGAAGA
AGAAGAAGGAGGAGAAGAAGAAGAAGATGAAGATCACGGCGTTGCTGGTCTTGAAATGTCACCCAGAAGGA
TCGGATCCGATTATATTAGCCAACGCTTCCGATGTGAGTCATTTGCGTTACTTTCAGAGGTCCAGCGTTAAGGA
GTTTCATCTGTTTTGTTGGTCGGACCGTCGTAAGCGTACCCCTCCTGACCAGCGTCAATCTGTTACAGCACGAAG
AGTATAAGGTGCATAGTTACAATAGAAATGGGCTTTGTGCCTTGGGATTTATGGATGACCACTACCCAGTTTCG
AAGTGCATTTTCTCTACTTAACCAGGTTATAGATGAGTACCAAAAAATTTTGGTGAAACATGGAGAAGTGCA
CAAGCGGATAACTCTCAACCATGGCCCTATCTGACTGAAGCTTTAACCAAATTCAGGATCCTGCAGAGGCTG
ATAAGCTGTTGAAAATACAGAGGGAATTGGATGAAACCAAAATTATTCTTCATAAGACCATTGACAGCGTGCT
TGCACGTGGCGAAAGGTTGGACAGTTTGGTCGAGAAGAGCTCTGATCTCAGTGCAGCATCACAGATGTTCTA
CAAACAAGCTAAAAAGACCAACCAGTGTTGTACCATATTGTAAGCTTTTGATGGCATCACATAGAAGGTGAAC
CAGAGAATTGATGATTGTAATATGATTATATCCTCTACAATTTGTTTGTTCGCTGAATCTTGTGAATTTATCC
TCGTTTGTGTTTAAAAGATGGGTGTTGGGTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCC
CCCGCCCCCAAACTTTATCAAACCCCCCAACCCAGGGGGGGCCCCGGACCCCAATTCCCCCTAAAGGGA
GCCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTACAACCCGGGACGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTTA
ACCCCTTGAACCACACCCCCCTTTCCCAAGTTGGGAAAAACCAAAAGCCCCCCCCCAATCCCCCTTCCCAA
AATTTGCCCCCCTGAAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGAACCGCCCCATTAACCCGGCGGGGGGGGGG

>trans_s_413 XM_002320975|Populus trichocarpa multidrug resistance protein ABC transporter
family, mRNA

CAAAGATTTGCAGGTTGATATCGGCCAAACACTCCTCTGGTCCTTAAGGGTCTCACGTTAAGTATTTATGGAG
GAGAAAAGATTGGTGTAGTTGGTCGAACAGGAAGTGGAATTCGACTCTAGTCCAAGTGTTGTTACAGACTGG
TTGAACCTTCAGCAGGAAAAATAATTATTGATGGAATCGACATTTCCACATTGGGGCTTCATGATCTAAGATCG
CGGCTCGGGATTATTCCTCAGGAACCAAGTTCTTTTCGAGGGGACAGTGAGAAGCAATATCGACCCAATTGGCC
AGTATTCTGATGATGAGATATGGAAGAGCTTGATCGATGCCAATTAAAGAGGTCGTGGCTTCAAAGCCTG
AGAACTTGATTCTCCAGTTGTTGATAATGGAGAAACTGGAGTGTGGGACAGAGGCAGCTTCTCTGCCTAG
GAAGGGTCATGCTAAACGAAGTAAGCTTTTGTTCATGGATGAAGCAACTGCATCAGTCGACTCAAAAACGG
ATGCATTGATTCAAAATATCATCCGAGAAGATTTTAGATCGTGACAATCATAAGTATAGCTCATAGAATTCCC
ACAGTCATGGATTGTGACCGAGTTTTGGTCGTGATGCAGGAAAAGCAAGAGAATTTGATAGGCCCTCTCAGT
TGCTTCAAAGGCCAACACTTTTTGGAGCATTGGTTCAAGAGTATGCCAATCGATCCCTTGAACTTTAAATGCGC
TGTTTTACGATTTGTTTGGCTTCTCAACGTCGTGTCTCGAGCGGCAACGCAACGGCGTAGTTAACCTTGGGCTC
GGGTTTTGTTTTGATGAATTAATAATGTGGTAGAAAGCAAGGCCTTGCATCCTAGTATGGGTAAAGGATGT
AACAACCTTCACATCAGCTGCATTGGTAACTGTTAGGATTCTCAATCTATCATCACTCTTGGGAGCATTGGC
TCGGTTTTCTTAGAGCAAATTTAGTAAGTTTTGTAAGCCATAGCTTATTATTGGTTCCAATCAATTAGTAGGAA
AAGCTACACTCAACAGAAAAGGAAAAGAAAGAAATTTAATTATTTGCATTGATCTGTTGAAGAAGTCTCTTGA
CCCTTTTCCCCCTTAGTATAACATCCAAGTTTCTGCTTTTGTAACTTGTGGTTGTTTTCCTTACTTTAATG

TGGTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTGAATTTTGTAGCCAAATTCTATATAAAGAAGTCGTAAAGATTACTCTTTT
AGTTTCTAAATTTTAGTTTAGTTTTAAAATTTTGTAAAGATTGAAAACTAAGATCCATTTGATAACTATCTTATT
TTTTAAACGAAGATTATAGATACAACTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_414 AY108504|Zea mays PCO117880 mRNA sequence

ATATCTGCAGAGATTTTGTGGGATGGCGGGTGGCTTCTGCGGCAGTTGTTACCTTATAGTGAGGCAGAGTTCA
ACAGTCATCATCTAAAATTGCTCAAAGATTCATATAAGTACTGGGCTACTGAGCTCTTACAGGAAGCTAGAGG
GATTTGGTCTGATTTCTCATAATACTTCTATCCGATGAGTGGAAGAGTGCAAAAGAGCAATTGAAGCCCCA
TCACCAAGCAAAGAACCAGTCCATGCTCTTGCACTCTGCAAGGCTTCTGCCGTTGATGCTGTTCCACAAAT
CATCATTTGCTGCTGGACAAAAATGTCTGACTTGGTAAAGGTATTTGTTCTTCTACACCAACTTCAATCATTTT
CCCTTGGCAAGGCTTTGTCAGATCAACCCTGTATTGACCCTCCATCACAAATCCCGATTGCTCTCGTGCAAAG
GTTGCTGGACTAGATGCTTCAGGACCTAAGCCAGGTGCTGAGTTGAGACTTGATGGTGCACTGCCTTGTAGA
ATTGCCCTTGAGAGGGGTAAAGAGCGCCACTTTTTCTTCTTGGAACTGCTATTGGAAGTTGCGGATGGATAA
TTCTTGCCGAAGAACTGCCATCAAAGTGAATTGTGGAATTGTTGAGTTGCTGCACCTCTTGCTGGATCAAAT
CCTAGAATTGATGAAAAACATTCAAGATGGCTGCACTTGAGGATTCGTCCATCAACTTTACCTTTCTAGATCC
TACCAAACATGGTACCCCACTAAAGTCAAAGGCAAAACCTTTTGTGGATGGGAGATGGATCCTAGCATTCCAG
GACGAGGATACTTGCAAAGTCGCACTTTCTATGTTTCTGGAGGAGATTAATCTGCAAAGCAAGGAGGTGAG
AGAAGACTTAAACCATTGGTCGGTCTCGAAAGAGCGGTAGATTCTGCAGATGCATTTTTATGTTCTACCAAGT
CATTAACTTCCAATACAGCTCCTAATCTAATGTGAGTATCATGTATTAATTCTTATCTAAGTTCTTTTCCCCAA
TAATAGATTTGCTTGATTACGGGTGATGTATTATTTATGTAACCACCTTCTGTATATGATCATCCCTTACCTCA
GAAATGCGAAGCAAAGAAAAGAGTAGTTTTAGCATCTGAGAGTTTGATCAATCCTTGATAGTATTTCTTCAC
ATTTGTTGATTTATCAACAAGTTTTACCCCTTCATTCTTTTGTGATCTAACCTCGGCTTGCTCTCTTCTTCAA
TATGTAAGAAATAAACATTAGCTTATAATTGATTGAATCTTAAGCCTTCTATACACATTGAGTGAAGTCTTATAG
ATTTCTTTTCCCATTTTTCTTTAAATACAAGTGACGACATGGTTCTTCTAAACAA

>trans_s_415 NM_100223|Arabidopsis thaliana 2A6; oxidoreductase (2A6) mRNA, complete cds

AGGAAGTTGTACGAACAATGCTCACCTCTGCAACTCAAACCTCTCTCTCCTTCAAACCTACATTCCCCTCCA
AAAACACTATCACAACCTCAAACAACAAATTCTACACCCTAAAAATGGCCGCTGATTTGATCGAGCCACTGAA
TTGAAGCAATTTGACCAAACCAAAGCCGGCGTCAAAGGCCTTCTCGACGCCGGCATCAATCAAATCCCTCGCA
TTTTCATCCACCCACCTGAACTCTCTCCGACCTCAAACCAACCTCTAAATCACCATCTTCTCTCCCCCGTCTCT
CGTCCCCACCATAGACCTGGCCGCCCTCCACTCCCCGACAACCGCTCTCCATCGTCGATCACATCCGAGACG
CCGCCTCCACCTTCGGATTCTTCCAAATCATCAACCATGGAGTTCCGCAAAAAGTGCTCGACGATATTCTCGAT
TCCATTAGGGCTTTTACGAACTGCCAGCGGAGGCAAAATCGTCCTACTACCGGAGGGACGTTGAGACCGGA
GTGTCGTAATTGTGCAACATCGATCTGTTTAAGGCAAAAGCGGCCAGTTGGAGAGATACGCTTCAGATAGGA
CTAGGACCGATGGCTGCAGCGTCGGAGAATATTCCGGCGATTTGCAGGAAGGCGGTGGCGGAGTGGGCGAA
GGAAACGGAAGGTTGGGGTATTTATTAGAGGAATTGCTGTGTGAGGGATTAGGGCTGAGATCAGAGCGGC
TTAAGGAGGCGACGTACGGAGAAGGGCGGATGATGGTGGGGCATTACTATCCGTAAGTCCACAGCCGGAT
CTGACGGTGGGGATAAAATCGCACACAGATCCTGGAGTTTTGACCGTTCTGCTGCAGGATCATATCGGCGGTT
TGCAGATAAGGCACGGCGGTGGTTGGGTGGATGTTGAGCCCGTCCCCGGTGCTCTTGTATCAATATCGGTG
ACTTGCTTCAGATCGCGTCAAATGATGTGTACAAAAGTGTGGAGCACAGAGTATTGGCAAATGGAAAGCCAG
AAGCACGTGTTTCCGTTGCGGTTTTTACAATCCTAGAATCAGAGATAACTTATATGGACCATTTCAGAACTA
ATCTCACAAGATACACCAGCTGTATATCAACAATTTACATATGCTGATTACATAACAAGATTTTTCAACAAGGA
GTTAGATGGGAAATCATTGCCCAACCATACAGAGTATGAACTTCATGTTTGTGCTATTTTTTACTTTCAAACCTT

TGAAAATGTTTGTATCTTTTAGGGACTTCCTTCTTTAAAAATAATATATTATAAGGATGAAAATATTCTATAAAA
ATATTTAAGTTTCAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_416 AY646352|Cucumis sativus spermidine synthase mRNA, complete cds

AGTGCTCACATCCAAACGAAACGGGTCATTGAGAAGCACTCCCCTCTCAGGCCTTGATTGGGGTTAGGGATT
TTAGCGAATCTATTCTTTTTCTTATGGCTGCGGAACAATCCGTCGTCGGGTCGGCAGCGAACAAACCCAGAT
TGAGAATGGGGTTCCTGCTTCTATTTCTCTGTAATTCCTGGATGGTTTTCTGAAATTAGCCCAATGTGGCCTG
GAGAGGCTCACTCCTGAAGGTGGAGAAGGTTTTGTTCAAGGGAAGTCTGATTATCAGGATGTTTTGGTATT
TCAGTCATCAACTATGGGAAGGTTCTGGTTTTGGATGGGGTGATTGAGCTTACTGAGAGAGATGAATGTGCT
TATCAAGAGATGATCACTCACCTTCCACTTTGCTCAATTCAAATCCCAAAAAGGTTCTAGTCATCGGTGGAGG
AGATGGCGGTGTCTTGCGAGAGGTGGCTCGACATTCATCCGTTGAGCAGATAGATATCTGTGAAATCGACAA
AATGGTAGTTGATGTTTCCAAAGAATTTTCCCTCGCGTAGCTATTGGGTACGAGGATCCTCGTGTCACTCTTC
ATGTTGGTGATGGTGTTCATTCTGAAGGCTGTTCTGAAGGCACTTATGATGCAATTATAGTGGATTCTTCT
GATCCTATCGGGCTGCACAAGAGCTTTTTGAGAAGCCCTTTTTGCTTCAGTTGCCAAAGCTCTTCGACCAGG
AGGTGTTGTATGTAATCAGGCAGAGAGCATCTGGCTTCACATGCATATCATTGAAGACATTGTAACAACTGC
CGCCAGATATTCAAAGGCTCTGTCAACTATGCATGGACTACAGTTCACATATCCAAGTGGAGTGATTGGGT
TTATGCTCTGCTCAACCGAGGGACCTGATGTCGATTTCAAGCATCCAGTAAACCCAGTCGAGGTGAACGGCAT
TGACTCCGCAAAGAGTCCGCTCAAGTTTTACAACCTCAGAGATTCATGCAGCAGAGTTCTGTTGCCATCTTTTG
CGAAGAAGATTATTGATTCAAATGAACGTGAAAGCATCCCCACAACAGCATCGAAGAATGAAGAAGCAG
AAATTTGCTGTGTTGGAGCACACCATCTTTTCATCCTCAACCATGTATGTAATAAGTCAGAGACTTGAATTAGA
GTCAAATGGTCGTTTTTTATTGTGATCAAGGTCATAAAGTTTCTTGAGATTTATTATTACTAGTAGAATTAGG
TTTTGTTTTTCCCAACAATTTCCCCCATCTTTTTTTTTCTTTTTAAATTTGTAATGTGACCTCTGATGTTCTCT
AGGTTGAATAAATAGGCTAAATTAACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_417 XM_002872848|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-
containing protein, mRNA

TGGAAGAATTGTTGATGTTGATGCAGTTAGGTGAGGATTACACTGAATTCATGGTCTCCAAAATCAAGGGATT
GAGTTCTATAGATCCAGAGTTGGTTCCCGAGCTACAAAGGCTTTCAGAAGTGGAAGTTTTAGCAAAGCAATT
CAAGATATCACAGGATTTTATGTGATTCTGGAGGGATTTTTCATGGTTGAAAATGTGAGAAAAGCTATCAAGA
TAGATGAGCCGGTGCCTGATAGTCTTACCACTTCTATGGTGGACGACGTGTTCTATGTCCTACAGAGTTGCTTA
AGACGTGCAATTTCCACTTCGAATATCAGCTCATTGATTGCAGTTCTGAGTGGTGCTAGTAGTCTATTGAGCAA
TGAGTACCAAGAGGCATTACAACAAAAATGCGGAGAACCAACTTAGGCGCAAACTATTTTAGGGGGTGT
TGGTGTACAAAAGACAGGGACAGAGATTGCAACAGCCTTGAATAACATGGACGTGAGTAGTGAATATGTTTT
GAAACTCAACATGAGATTGAGGAGCAATGTGCGGAGGTATTTCTGCGCCTGCAGAAAGAGAAAAAGTGA
AATCTTGTTTATCTGAATTGGGTGACATGAGCAACACTTTCAAGCAAGCTTTGAATGCTGGCCTGGAACAATTA
GTTGGAACCATAGCACCACGGATTGCGCCAGTTTTAGATACCGTTGCAACAATTAGCTATGAATTGTCCGAGG
CTGAGTATGCCGATAACGAAGTGAATGACCCATGGGTCCAAAGACTTCTCCATGCAGTGGAACAAATGTGG
CATGGCTTCAGCCTCTAATGACTGCCAACAATTACGACTCGTTCGTGCATTTGGTCATCGACTTTATTGTCAAAA
GGCTTGAAGTGATTATGGTGCATAAAAGGTTAATCAGCTTGGACGGCTTCACTTGACAGAGATGCAAGAG
CATTGGGAAGCCACTTTTCCAGCATGACTCAAAAAACGGTTCGAGATAAGTTTGCTCGTCTCACTCAAATGGCC
ACGATTCTCACTTAGAGAAGGTTTCAGAGATTCTAGACTTCTGGGGAGAGAACTCAGGACCTATGACATGGA
GACTTACTCCAGCAGAGGTTAGGCGTGTATTGGGTCTCCGAGTTGGTTTTAACTGAAGCTATAGCTGCTCTT
AAATTGTAAGCCTATTTTTCAATACTCACAATATTACCTTATATTCTTTGGTTATTTACGTTAAGAAATAGCTCT

CTTGGTTTTTCTTTTTCTTTTTCAACTTTTTGTTACTTGAAATTTTAATCACAGATTCTTAAGGCAATAAGATGT
GCTTTGGACGTTTAATGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_418 AB435244|Cucurbita maxima CmPhoH1 mRNA for alpha-1,4-glucan phosphorylase H
isozyme, complete cds

AGCCACAACCTTCGGTCCCTGCAGAATATGTATGTGTTTCAGACAAATCTTGTTTGTACTTGGATGGTTTAAGA
TTGATTTTTTAATCAATAAGCAGCCCCAAAATAAAATAAAATAAACTTGATTTTGATTGTTGGGGGCATGCTTTCA
ATAAATCTTGAAGCTATTGGAAGTCGATTTTCACAAAGACTCGAAGTATGGAGGCTTTAGTCAATTAATCAATA
TATATCGGACATGATGCCTCACCAGCAATCTAGTTGAAGCTGTGTATCAAATCATATAATAAGAATACACCGGT
AATCTTCGATGGAGAAAGAAATAGTGCCTAACCGACTATCAAGGAACAAATCTCTCCCTCCCTACCAGAACTT
GCTCAAGCTATTTTAACCCAATAAATATTTGATAAGTAGCAAACGAATCTAGCACTAGGACCATCAGAGGAAA
CATAATTATCTAGACAAAACCTTCATGATTGAGGAACAACTTTCCCTTATCCTTACTTGAATGATTAACTGTT
AAACTAAAATATCTAAGTTACAATAATTAATAATAACCTTGCATACTGCAGCATCAGAGAACTAGCATTAGCAG
CATCATTGAGGCTAAACAACCAAGGGAGGGGAAATAGAGGCAGTTACTTACTTGTAAGCTTCATCTACTCTTG
CCTGTGCATCCATGTAGGTCGAGAAGTCATGACCAACAAGAAAGTAATCACCTCGGCCATAGCCTGAGTTTCC
CTCAAGGGAATCTAAGAGAGGGCCATAGTCATAGTTTCAAATGCACCACTCCTAATGAACTGTTTGGCCTCTT
CAAATCGAGGATCCGGCTTAAACAGTCCACGTTCTCTCTCTTCCGGAGCCTTGGGACATCATCCGAGTTGCA
CCAAATAGGAAAAAGTTCTCCTCTCCAATTTCTCTCTGATTTCTACGTTGGCCCCATCCAATGTTCTATTATG
AGGCAGCCATTGAGAGCAAACCTTCATGTTGCTAGTACCACTCGCTTCATGCCAGCGGTGCTGATATGCTGTG
ATAACTCACTTCTGGGATAAGCTTCTCTGCCACAGACACATTGTAATTTGGAACAAATACAACCTTCAAGTAG
CTATTGACCTCAGGATCAGTGTGACAACCTGCACCAACATCATTTACCAGCTTGACTATTCGCTTAGCATTGTGA
TATGTAGCGAAATGCTTTTCTCCGAATCATAATAGTCCTTGAGTAGTTTTCTCCGGTTCTTCGGGACTCATT
TCCCTTAACTTCTTGATCGATAAATTGCACCCAAGATACTCAGCAGTTGCCTTTTATATTCTGTATGCGCTTA
ACTTGTATGTCAAATAAAGTATTTCGAGTCAATGCTAATGCCAGTCACTTGCTC

>trans_s_419 NM_001048540|Oryza sativa Japonica Group Os01g0144600 (Os01g0144600)
mRNA, complete cds

AAACGGAAAAGAGAAAGAAACGGAAGCCCTAGCCTCCATTTCTTTCTCTCCACTTGCAGCCACCACCCCTCTCT
ATGTTTCAGCCTTCTCTCCGGTGACACTCCAGCGCCCATAGGTCTAAGGCGGCGAAGACTGAACCAGATTTGT
AGTCAACCATTACTCGGAATCTGGCTTGCAATTTGTGAGCAGACTCCGGGCTTTTGAAGCATTGTTTCTCCCT
TTGAGACTCCAACGTGAACAAGTTGTGCATTACGTTTTCGACGACTGGGTGTCTTGCAGCAGGTTTTTTGATTT
GGGAGTAAGCTTTCAACTGCTATCCTCACTTCGCTTGGCTTCAAATCAGTTTACCATATCATTACGGCCCATTT
TTGCAAGTTTCGGACGTTTTTCAGACACCAATCGGCAAGGATTGGAGCGTTTTTTTATAACATTTCGGCACAAATTA
CAGAAAGTGTTCAGGTTGTGTGCACTTGCAAAAAGTAAAACCGAAAGAGACAGGAAATAGATTAGAAAGT
GAAGTTCGTTGTTTCGAGCTTCTTTTGGCCAAACCATAATGGCAAAGCGCGAGATTTCCAGTACATTAAGAAAC
TTGAAGTTCATGCAAAGGGCGACTCAGAGAGAGGAGCAACCTAAGAAAGAGGAAGAAGTAAAAAACCTGA
TGAGAAATTTCTTCCCTCGGGTACTAAAATCAGAAAGTGTGTGGTTTTAGTTGAAGGAGATCCTCATCCAGGG
GCTCTTAAAGGTGCAATGTCATTCCAGAGCTTTAATCCTTCAATTGATAAACTCAATGAAGAAGCAGCTAGGTT
AGGGCAGCATGAAATTCATGCACTTCTCAGGGAATCATAGTGGAACCTTTTCATCAAGAGATGATGGATCT
TCAAGTAATGAAGCAGTGTGCTCAAACATTGATGAAAATAATTGTGAGGCTACCGAGGACCTTAAAGGAAA
CAATCTGAAGTAGTTCATGAAGGACAACATCCAATAAGTTTTCTAGAAGTGGAATGGTAAGGATCCTTCA
AGAAACCAAAGGGTGGAAGCTGGACTGGAATGTTCTTAGGCCCTCTAAGGCTCCCAATAAAGTGGGTAAT
CTTGTGTAGGAAAGTCATTAGATGGGTGAATCCAGTTTCTATGCTCTTAGGAGATTGTATTGATTCTTGCCAG
TGTTTGTAGCTATATGGGACCCTTAGAGTTCCATGATCAATTAATGGGAAGTGTCATGTCATTTAACGTCTCT

TACCACCTCATTCGAGATTCTTAATTCATACATACCTGTACTCTGATCAAGAATGAATCTCAATACATGGAATAT
TGTCTGATTTTGTAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_420 NM_130185|Arabidopsis thaliana ABIL1 (Abi-1-like 1) (ABIL1) mRNA, complete cds

GCTTCTCTCTCACTCACTCACTAACTCACTTTGCTTTCTTTCTCACCGAATCCAAATTTCCACTCTCTGTTATGAAA
CTTCCTTTCTTTCTTTGCTTTGATTTGATTTCACTTATTCTCTCTAGTTCCTTGATTTCTCTCAAGAAAATGGAGT
TGGATCATCAACTCAGACCGGACAATCCCGCCGCCATGACTTTGACGAGGCTTCCATGGAGCGCAGCAAGA
GCTTTGTTAAAGCCTTGCAGGAATTGAAAAATTTGAGGCCTCAGCTGTACTCTGCTGCTGAGTATTGTGAGAA
AACCTACCTTCACAGTGAGCAGAAGCAAATGGTGGTGGACAACCTAAAGGACTATGCTGTTGAGCTCTTGTG
AATGCTGTTGATCACCTTGGTACAGTGGCATAACAAGTTGACTGAGCTTCTTGAGCAGCAAACATCAGATGTAT
CAACCATGGAACCTAAAGTTTCCTGTCTAAATCAGCAACTTCTTACATGTCAAACATATACGGATAAAGAAGGC
CTCAGGCAGCAGCAGCTACTGGCATTGATCCCAAGGCATCATAAGCACTATATTTTACCGAATTTCTGTCAGTAA
GAAGGTACATTTTAGTCCACACATACAACTGATGCTAGGCAGCAACCCTTCAAGCAAGAGGTCGTCTTCAG
CCCTCAGGCATTGCTGCATCTAAGACACTTTCATGGCATTAGCCTCAGAGACAAAGTCAACACTGAAAGGTG
GTTACATTCTTTAAACAGCAACGAGGATCAAAAAATTGCAGAAAAAACTTCTGGAACCTTCCATCTTATAGAT
AATGATGCCGCTATCCGTCCGAGATATTCTGCTGGTCACAGTCAGCCATCAAATGGATTTCCTGCTTCCAGTGC
AATTTTGCAATCCCTAGGTGGTGCACACAGGGAGGCATTCGAGGGTTCAAACATTTGACAGCATTATGTGCG
TTTGATGCCCCCAGTCGACATGAAAGAGTACACGTCCCGACTCGCAGCAAAAGTGTGCTATCTGCTTTCTTCGT
AAAACAGAAAACACCAAACTGAAGGCAGGCTCCGTCTCGTAAATTCTTCAACAAAAAATGACCAGCAATAAC
CTCAACTGTCATGGCGCAAATTCTACATGTATTGTATCTTCTCCACTCCTCCATTTTATTCTCTTTTATGTGCAA
TAAATAATGAAAATCGGTACATAAAAGCAATAAGGGATTTAGGGAAGATGGTAGACAACAGGTGTCTATACG
TCGATTCTTGCTCAATATGATGATTGATAGGTTAATTTCTCTGGACGGTTCATTTTCTGTACTGTTACTTGTGCC
TAATTGATTGCTTACATTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_421 NM_180385|Arabidopsis thaliana OTU-like cysteine protease family protein
(AT3G57810) mRNA, complete cds

AATTGTTGTAATTGAATTCCGATTTGGGGGAAAAAAGTGTGGTTCTGGACAGTGCCCAAATGCTCTTGTTTC
ATCTTTGAATTTTAAGCAGCTCCTCGATGAAGCTACCAAGCGAAAACAATGGCAAATTCAGAAGCAACTTCTTC
AATACAAATCCAAGAAGACAATATGGACATTGCCCTTTTCTACTCTCCAAGCAATTCGCTACTTAAACCCCTA
AATCCCAACGTGGGTCTGTCGTCTGTGTGTTCTTGCCTCAAATTAATCTCAAAGTTATCCTTTCAGGCTGCACC
ACCATGAGTATTGGTTCAATCAGTATTTGTACAAGGAATGCTGTCCCTCTGAACCTTGCGCATTTACACACAGAT
GGGCAGCAACATCTGTACAGTGCTATCCAGGAGAACATCAACTTCATGCTGTTCTATGGAATTTCAAGACCA
AAGTATGCCGATCAATCCGTCACCACAATATCATCTTGTTACCAAATACTAGCCAAAGATTTAGGGAGGCTG
TCTCAGTACTTGCTTCTCAGACGGTCAATTGACTTTCAAGCTTTTACAGTTAAAGATTTGATCACCGATAGAG
GATCACCTGGTAGAGAAGTTGAAATTTCACTGGCATGTAAAGGTATGAATGTGAAGCTCTCAATCCCCAATGA
TGGGACATTTAGCAAAATCAAATATAACATGCGATGGCCAGAAAGATGGGCATCTGCTGGCTTAGTTTTTGGG
TGGGTGGTTTGTATTCAACTTCTGAACCAAGTCCATGCTGAAGCAGCTTATGAAAAAGATGATAATGAAGAAA
ACTCTGATTCATCTCATGTCAAACCTCTCATGGAAAAAAGTTTACACCGACTACTCGGTTATCGGAATTCCT
GGAGATGGAAGATGTTTGTTCGGTCAGTCGCTCATGGTGTCTGTTTGAGATCTGGGAAACCAGCTCCAAGTG
AGAGCCTTCAGAGAGATTTAGCAGACGAATTGCGGTCCAATGTTGCAGATGAGTTCATCAAGAGACGTGAGG
AAACAGAATGGTTTGTGAAGGCGATTTGATACGTACGTGTCAAATATGCGAAAACACACGTGTGGGGAG
GGGAGCCGGAGTTGTTTATGGCTTCACATGTTCTTCAGGCACCTATCATAGTGTACATGTACGATAAAGATTCT
GATGGGTTGATTTCCATTGCTGAATATGGCGATGAATATGGCAAAGAAAATCCAATCAGAGTTCTGTACCATG

GTTTTGGCCATTACGATGCTTTGCAAATTCCTGCTAATCAAGGAGTAGGTAGATCTAACTTTAGTCTTCTAAA
TTAATTATTTCTCAATCAAATTACATTCTCTTTTATTCTATTTAATAAATTTCTCTCATTCC

>trans_s_422 XM_002298167|Populus trichocarpa amidase family protein (AMI5), mRNA

TAGAAAATTTATCTGGTTATCAGTCTCCAAAACACATGAACTTTGGCCAGTACCTGGCTTCTAATGTCCCCAGT
CTGAAAGGGTTCCTTGATCAATCACCAAATTGCAAAAAGGAATTACTATTTTAAAAGCTCTCTCTTCTGTTAT
GATTTTATTACAGAGATGTGAATTTAAATAAATCACGAAGAATGGATTAAGTCAGTCAAACCCAAGTTAGGA
TCTAATGCATCTGAAGATGTTCTTGCAGCAATTAACATCTTATGATGATATAAAAACTCTATACAAAGTCAG
AATGGAGACGAGAATTGCACTTAAAAGTTTATTAAGGGTGATGGGATATTAGTAATTCCTACAGTTGCGGAC
CCCCACCAAAGTTTAGTACAAAGAAGGGAATTGCTTCTGAGTTTCGTGATAGGACATTTGCATTATCAAGCAT
TTCAAGCATGTCTGGTTGCTGTGAAGTTGCTGTTCCGCTGGGAAAGCGGGACGACTGCCCCATCTCAGTTTCA
CTCATAACATTTTATGTTGCCGATAAGTTTCTTCTGGACACTGTCCTGGATATTTTCTCAGCTCTTCAAGAGCAA
GTTGGCATTGCTTCTAACAATCTATTGCCATTTGCTGATACCAATGGGGACATGGATGCCTCTGAACTATTGAA
AGAAAAGGGCAACGCAGCTTTTAAAGGAAGGCAGTGGAATAAAGCTGTTAGTTACTACGCAGATGCTATTAA
ATTAATGGGACAAATGCAACTTATTATTGCAACCGAGCTACCGCTTACTTAGAGTTAGGCTGCTTCAACAAG
CTGAAGATGACTGCAGCAAAGCCATATTACTTGATAAGAAGAATGTGAAGGCATATCTCAGACGGGGAACTG
CCAGAGAGTCTCTTCTCTATAAAGAAGCCATCAAAGATTTCAAGCATGCTCTTGTCTCGAACCGCAGAAT
AAAGTTGCAAATCTTGCTGAAAAGCGATTACAAAACTGATCAGTTGAGGATGCAACTCTTGTATGGAAAACG
AAAAATAAAACCAAATGATACGACTCCAAGATAAGAAGAAAATATAAAAAATAAAAAAGCAAAAGCCAAGG
TGATAGAGGCATTGTAATTGTGATTTGTGGAATGAAAGTAAAGGGTAGAGTTGGAAACGAGTCAGAGCCTAG
CGGCTGCTCTGCCAATTTTGTGGTATATATGAACTGTAATCAGCCTTATTTTGGCACAAGACCTTGTGGAAT
TCTTAACCTTTTGACCGTCTGGAATTCCAATTGGGATTCTAGGTGCTTCTTAGCGTTGTGAAATATTTTCTTTTC
ATCTTTTCTNAACAAGTTTATTGTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_423 EU325896|Poncirus trifoliata F-box protein mRNA, complete cds

ATTTCCGGGTGAGTTATTGGGGGTCGGTCGTCATTCTAAAGGCCGGACCTGCCGGCTTCAGCTCCGGTCACCG
GCCGACGGACATTATATATCGAAGTTTTATAATCGATCCTTCAGGACTTCGAAAATCCCATCGCTTGATGTG
AGATGGCCATTCCAGATGAAGACGACGAGTTCTTGGCTCAATTTCTCGAATCAGAGGTTCTCTCGGAGGTCTC
CGACAAGGAGGAGGGGAACGTGCAGGAGGAACCAAAGCCTAAGAGAGCTCGAATCGAACAGATTAGCCCTA
ACGAACAAAGAGAGGTAGTTTCTGTTACTAGTTCCTCCTCTCAATCCAAGGGCGTTGTTCTGGGAGGATTGA
GAGTGGAATTTTCAGTAAAATTCCTCCGGAGCTCTTCCGCCATATCTCAAGTTTCTCTCATCAGAGGATCTCAT
TTCTTGTTCAATTGGTTTGTGATTTTAAATTCTGCGGCGTCTGATGAATCATTGTGGCGCAGATTATATTGTCT
GCGTTGGGGTATGTTGCCACGTCCAAGAAGTTGCGCCAATGTCCTTGGAATAAAGCTTTATATTAGCGTGAC
GAAGAAGATATGACTCAACTGGTTCGAGATTGTTCTTCTGAATTTAAAGAGTACTACATCCAAATGCAAGCTG
CAAAGAGAAGTCAAGCTCCTCTTCTCTCAGGTGCAGGATGACCAAATAATTCTTGATAGGACCATGGCTGA
TCAAGTATCTACATGGAAGAGCAGCAGGGGATTGACTGACAAGATAGTCCTAGATCACACTTGTCTGGAGA
AACGTGTACATATTACCAAATTGGAGATGCATTTGTATGTGAAAAGACTGGACTTGTTTATGTATGTGACGAC
ACTTGCAGAGAAGTCATTATGGATCCCAATGATGAACAACCTTGCTGCACAATATCTGGACACTGCTTTGATTC
TCTACTTTTGCCAGACGCTATGGAACAGATACTGAACAGCAACAAGCCGGTGGAACCGATGAGGCGGAAC
ATTCATGGGTTTCAGGCCGTTTTGCTCGAGCTTACTTGTGGGTACAATTGTGCTGACGAAGCGGAGCTAGAA
GCTACTTTGAGGTTTTGTTGATTTGGAAGTGAACGAGTTGTGGTATGATTCAACATCTTACTGCCTCACCTG
TGTGTGTTGGCTTATATTAGTCAATTTCAATTCGTGTAGAAGTTTGTTAACTAGGTAATATATAATTATATATG
TTATATATATTTTATTTTAACCAAGTTTCTTACATTCTACTGCGGGTATGCCTCTCTCTACTCTCTCTCTC
TTCTAGTTCAGTAGGGCGTTGTAATATCTATCAGTTTCAAATATATTTTGAATTTT

>trans_s_424 AY108950|Zea mays PCO069505 mRNA sequence

CAACTGAAAAAGTAGAGCCCAACCAATTTAAAACTCAACAACTCTCTACTCATACTTCTAATTTTCTTCACT
TCCTGATATTCCAACTCAACTCAAACCCAAAATGGAACGCTATGAGATACTCAAGGATATTGGGTCTGGGAA
TTTTGGTGTGCTAAACTTGTGAGAGATAAATGGAGTGGAGAGCTTTATGCTGTCAAGTATATTGAGAGGGG
CCAAAAGATCGATGAGCATGTCCAGAGGGAGATAACGAATCACAGGTCTTTGAAGCATCCCAATATCATAAG
ATTTAAAGAGGTTCTACTCACTCCCACGCATCTGGCCATTGTTCATGGAATATGCAGCTGGGGGAGAAGCTTTTTG
AGAGAATATGCAACGCCGGAAGATTCAGTGAAGATGAGGCAAGATATTTTTTTCAGCAACTGATTCAGGAG
TCAGCTACTGCCATTCAATACAAATTTGCCACAGGGATCTTAAGCTAGAGAACACACTTCTAGATGGAAGCTC
AGCCCCACGGCTCAAATTTGCGACTTTGGCTATTCCAAGTCATCAGTGTTCATTCCCAACCAAAATCTACCG
TTGGAACCCCAGCCTACATTGCACCAGAAGTTTTGTCTAGAAGAGAATACGATGGGAAGATTGCAGATGTTTG
GTCTTGTGGGGTCACTTTATATGTGATGCTGGTTGGAGCGTATCCTTTTGAAGATCCTGAAGATCCCAAAAAT
TCAGAAAGACGCTCCAGAGGATTCTTAATGTCCATTACTCAATACCACACTATGTAAGAATTTTCATTGGAATGC
AAGCACCTTCTATCTCGAATATTTGTAGCAGATCCAGAGACGAGAATAACAATCCCAGAAATCAAGAAGCACC
CATGGTTCTTGAAGAACTTGCCAGTAGAGTTCACAGATGAAGGGTTGGAAGGGATACAGAGTAATGGAGAA
AATGAGGCAACCCAGAGTATTGAAGAGATCCTGTCCATAATTCACGAGGCTAGAAAGCCTGGGGAGGGGGCTC
ATAGTTGGAGGGCAAGGGCAATTTGTTGGGGGCAGCTTGGACATGGATGACTTGGACACAGATCTTGATATC
GATGATTTGGAGACAAGTGGTGAATTTGTTTGTGCCTTGGAGTGCTAGTCATTGTCAGGAAGGCCGGGCCAA
CTTTTGGCCAAACAAAATAAAAATAGAATTAATGGTTGGGTTGGGGAATCAAATCTCTTATTTAGTGGGAT
GATGGTGTGTACGTATTGCTGTTCTGTTGGGAGGTTTCTATCTGTCTCTTTGAGATTGTCAGAGTCCATTAGAAAC
ACTGTAAATTTTATAGCAGCTTTAATAATGCCGTTGTTAACCTCTCCTTTATTCATCTTTATGCGTAT

>trans_s_425 XM_002890636|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ANAC008, mRNA

AAAAGTAGAAAGACAGACCCTTTTCAGTTTTTCATCATTACTGTTTTGTTGTTACGAGACGCGTCCAACAGTAAC
TGGGTCTCAAAATTTTCCAAAATCGAACACCGTTTCTTCAAAATCTCTCACGCGGTATAGAATCAAAGTAGAT
GACGCAGCTGCGATTGTAGACATAACATTTGTAATTGTGGATCTCGATCTCCCCATTGCTGTTTTCCATGGCT
AGACCTTCATGGCTGGTAGACAGCAATAGAATTGCAACAAAAATTAAGAGTGCATCTGGAACAAGCAATCCTC
GAAGCGTGGAATGGAAAAGCAACCCGAGCAAAAGTTGTCCGAATTGCCACCATACAATCGATAACAGTGATG
TTGTTCAAGAGTGGCCAGGATTACCTAGAGGTGTAAAATTTGATCCTTCCGACCAAGAAATTATATGGCATCT
GCTAGCCAAAGTTGGTATTGGTGGTTCAAGGCCACATCCTTTTCATTGATGAGTTTATACCAACTGTCTTTGAAG
ATGACGACATATGTTATACCCATCCTCAAAAATTACCAGGTGTTAAACAAGATGGCAGTGTATCCCACTTCTTT
CATAGAGCAATCAAGGCATACAATACTGGGACTCGAAAGCGTAGGAAGATAACAGACGATGATTTTGGTGAT
GTTGCTGTCATAAAGACTGGAAGGACAAAACAGTGGTCATCGATGGCGTTCAAAGGGTGCAAGAAGATTA
TGGTTCTATACATGAGCTTTGCCAAAGGGGGTAGAGCTGAGAAAACCAATTGGGTTATGCACCAATATCACTT
TAGGGACAGAGAAGATGAGAGGGATGGCGAATATGTCAATTTCCAAAATATTTTCATCAGCAACAAAATGTAA
GCAGGGTGAAGTCACTGAACAGGAAGCTCCTGAAATCATTGATACCATAAAAGTCGATCCCCATACTCCAAAT
TCTGCGACTCCTGAGCCTCCTCGTATTGAAAGTAGATGTGTGGATGTTGATCCGGAACAAGATTCTATAATCAC
TTCCACAAGTGTGCTTGTGAGGTATATGAAAACGGCATCTCATTCTCATGTTCCACAAATCCAGACTCACAAA
CCATGCTTGTGATATTCATATGAATCGAACTAATTTGGATTTGTATGGCCTCTGTTTTTCATTGTGTGCAAGTTTT
GGATCTGAAATGCTGGGAATAGTTAATTTTACTAAAGCCTGGCATCCATCGAAAAGAATGTCACCTCTTGTTG
CACTCTTTATGCAATATGCATCATTTGTTCTTTAACGAGCCTGCTTATTATCAATTAGGTTCCACCAGAATTTG
AAGAGTCAGAAAAACACAATATTATCAAGCCAGATGGTTACTCCAATGAAGTGATTGACG

>trans_s_426 AY902466|Gossypium hirsutum 3-ketoacyl-CoA reductase 1 mRNA, complete cds

AGTTCTCAAATCTCAACTAAAAGCTGAAACGCAAAACCCCCGAATGAAAGTGTTGAGATTTTTAATTAGCCGGT
TTGCTCATCTACTTCAGCAACCCATCATCCGTTTCCATAAATGTAACCCATACTCCATTTCTTCTTCTTCTTCC
TAATCTTCCTTCCATCTCCTCACAATCTTCTTTTAATCCCACATTTCTACTCCCAAATCCCCAATCCAAATA
TGCAGCTCGGTTGTATCGAACAACTAAATCTCAACCCATCTGGGTTTTATTCTTTTAGCATTGGGATCTCTCT
CAGCTCTCAAATTCATACTAATCATTCTCAAATGGATCTATGTTAATTTCTCCGACCCTCAAAGAATCTCAAGA
AATACGGTTCATGGGCACTCGTCACTGGACCCACTGATGGTATCGGTAAGAGTTTCGCTTTTCAGTTGGCTCGT
AAAGGGCTCAATCTCGTTTTGGTGGGTCGGAACCCTGAGAACTCAAAGATGTTTCTGATTCTATTGTTGCTAA
GTACGGTAGCATCCAGATTAAGAGCGTTGTCGTTGATTTCTCCGGTGATCTTTCAGAAGGTATTAAGAGAATC
ACTGAAGCGATTGAAGGTTTGGATGTTGGGTTTTGATTAATAACGTTGGGGTTTCATATCCGTATGGAAGGT
TTTTTCATGAAGTGGATGAGGAGCTTCTGAATAACTTAATTAAGGTCAATGTTGAAGGCACCACTAAGGTGAC
TCATGCTGTTTTGCCTGGAATGTTGAAGAGGAAGAGAGGTGCCATTGTTAATATTGGTTCTGGTGCTGCTATT
GTTATTCCTTCAGATCCCCTGTATACTGTTTATGCTGCTACCAAAGCGTACATCGATCAATTCTCGAGATGCTTG
TATGTGGAGTACAAGAAGAGTGGAATTGATGTGCAATGTCAGGTTCCGCTATATGTTGCTACCAAAATGGCGT
CAATTCGAAGATCATCCTTCTTCGTTCCCTCAACCAATGGATATGCAGCAGCAGCTCTACGCTGGATAGGTTAC
GAGCCGCGCTGCACACCGTATTGGCCCCATCACTTTTATGGGGTTTGGTGTCTTGTGCGGAGTCTGTTGT
CGATGGTTGGCGCCTGAACTTTTGTCTTGGCATCAGAAAGAGAGGACAACCTGAAAGATTCCAGGAAAAAAGA
GTAGGAAGATTAAAGATACGTAGTTCTAATTTGCAGAGAAGAATAACATTTCTCCTTAGTGTCAGCTACTTTTC
GAAATTTGGAACACAAGCGTCTAGATCTGTATGTTTTAGTTTGATTGTTCTTTGACCAATATATATTTTTTTCC
ATTTTATATCAGCCTTTTTTTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_427 BT010414|Arabidopsis thaliana At1g64980 mRNA, complete cds

ATCGCAAGGAGCGTACCCGCTCATTCCCCTCACTCTCTTATCACCGTATTCTTCTCTCTCGCACACAATTTAAAA
CGCTCCCTCCCTAAATTTCTTGGGCCAAGATTTCCCTCTCGCATCTACAAATAACAAAACCTTTGACGAATCCAT
TCGACTGTTTTCTTCTCCTCATCATTTACATTTGCCTCCTTCTTGCAATTGAAGATTTAGTGCCACCAAAGCCTC
TGATTCCAATGGGTTCTTCCAATGGAGAGAATCATCCTGCTGTTGGAGATGAGCAACCATTTAGGATCTTTGT
GGGCTATGATGTTTCGTGAAGATCTTGCCTTGAGGTCTGTGCCATTCCATCTTGAAGCGATCTTCAATCCCTG
TTGAGATCATACCAATCAAGCAAGCAGATCTGAGAAAGAATGGTGTCTATTGGCGTGAGAGAGGACAAACTG
AAAGCACCGAATTTTCGTTTTACGGTTCTTAACCTCTTATTGGCAAATTATAAAGGATGGGCAATGTTTGTG
GATTGTGATTTCTGTATCTAGCTGATATTAAGGAACTGAGGGACTTAATTGACAATAAGTTTGCAGTTATGTG
TGTCCACCATGATTATACTCCAAAAGAACTACAAAATGGATGGTGCAGTTCAAACCTGTTTACCCAAGGAAG
AATTGGTCTTCAATGGTTTTGTACAATTGTGGGCATCCAAAGAACAAAGTGTTAACACCTGAGATTGTCAACAC
TCAAACCTGGTGATTTCTTCATAGATTTCAATGGCTTGAGGATAATGAAATTGGGTCAGTCCCATTTGTTTGA
ACTTTCTTGAAGGCCATAACAAGATTGTGGAAGGTGATTTAACCCTCTCCCTAAAGCAATTCCTACACTCGT
GGTGGACCATGGTTTGAAGCTTGAAGAATTGTGAATTTGGAGATCTCTGGGTGAAAGAAATGGAGGAGTAT
AAGAAGACTGAGAAGACATCTGAAGAATAGAAATCGAACATGAAAGTAAGTTCTCAAGGTTTAATTGTGGAA
CTGATTTTTTTATTTTTGATATTTGCTTATAATTCTTTAGATTGGTTATGATTGGTTGAACTGTAGATTTAAATAT
AGTATATCAGATTGTATGGAGGCCTGCGAAAATGATGGTTCGATGATTTGTAGTAGTATTGTTACTGGGATTG
TAGGAACATTATCTGTTCTGTAGTACTATTTTGTGTTGTTCTACATCTGTGCTTACAAATTCAGGGGGTGAAT
TTCCTAAACATTCTTAAGGTATAGGTTTGAATCTCCTCCCTATTTTATTGTGTAATATTGTATAAGAAATGAAG
AATATGGTTTCTAATTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_428 NM_102394|Arabidopsis thaliana BSD domain-containing protein (AT1G26300)
mRNA, complete cds

GTAACCATAGTCGACAGAACAGAACGAAACGAAAACAGAAACCGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAA
GAAGAAGTCAATGGAGGATTTATGGAAGAGAGCAAAATCCTTCGCAGAAGAAGCGGCTAAGAAATCCCAA
CCTTAACCTCCACCTCCACACTCTCCGAATTGGTCTCCGAAACTGCCAAAAATCCAAGGAGCTCGCCGCTGAG
GCCTCCAAGACTGCCGATCTCATCAAACCGCCGCCATCAAGCAAGCCGATCAACTCAAATCACTCAATGTCTC
CGACATTATCCCTCCTCAACTCTCTTCCATTTCCTAATTTCTCTGTTCTTCTCATCCTTCTCAGTCTGAGC
TTGAAAAGTTTGGCCTCAACAACGATCTGAGAGATTTTGTAGAGGATTTACTCCCACTACTTTCCAGAACTTT
CCGATCCAAGACGAACCGGATGCGTCGGACGTTGCGGTTACGTCCTCGAATGTGCGTAAGGATCTGACGGAA
TGGCAAGAAAAGCACGCCACGTTGGTTCTACCAATGTCAAGGAAATTTCAAGATTAAGATATGAACTATGTC
CAAGAATTATGAAAGAAAGGATATTCTGGAGGATATATTTTACACTTGTGAGCAGTCATGTTGCTCCATACGA
GAAAAAATACATGGAAGAGATTAAGCTGAAGTCTGAAGAACAAAGAAAAGCCGATGAAGCCAAGCAAATC
CGTTGGTTGGAGCCTCTGAAAAAGCTGAAGGGCCGGAAGAAAGAACCCGAAGGGTATAGCTTCCAAATCGTCGT
CTGCTGAACAAGACTTGGATACTTTTCTTTTGGGAGATCTCGAGGACAGTGACGCTGAACGTGCAGATGATG
GCAACGAAAGCTTCGATGATGACTTCGACAAGATCGAAAACCTCGGATGTCGATGAAGACAATTCCAAGGTAA
AAGCCACAAGCAGTTAGAATGTGAAGTACAAGAAGAAGAAGATGGGGTTTTTAATAGGATCGTGGCCTTGGC
TTATAGACAAAAAGAATGGGCTGTTGAGAAGAAAGTGAAGGTGAATACTAATACCATATCGAAGTACGGCAG
TGCAGGCTTTTTTATAACCAAAAAATACCAAAAAATAAGAGTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGATTGTTGTTTGT
GAGAAATATCCGTAAGTTTTTGCACCTTATCGATTCTATTCAATTGTATAACAACGCTGCCATTGATAAACAA
CTGACTCTCTATATAGTGATTGGGGATGGCTGGTTTTCCCTTGCTCGAACTTGTACAGAATTTACACAATTACT
TTGTCAAATTCGATTGTGTTTTACATTTTAAAGATGGAATTTCTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_429 XM_002894387|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DJ-1 family protein, mRNA

TCACTCCTCAACTCCATTCTCACAGACACCGCTTCTTCTCCATCCGTGCTTCCATGGCGTCTCCTCCTGCTCGCAA
GGTTTTGGTTCCGGTTGCGAACGGCACCGAGCCGCTTGAGGCTGTCATCACCATTGACGTGCTTCGACGTGCT
GGAGCTGATGTTACCGTTGCTTCCGTGGAGAATCATATTCGTGTTGATGCTGCTCATCAGATCAAGATTGTTGC
GGATTCCCTCATTTAGATTGTGCAGATACTGTTTTCGATCTCATCGCACTTCTGGAGGTATGCCGGGTGCTA
CCAGTCTAAGAGATTGTGCAGTTTTGGAGAACATAGTGAAGAAGCAAGCTGCTGATGGTCGACTTTATGCTGC
CATTTGTGCTTACCTGCAGTGGTGCTTGGATCATGGGGTTTGCTGAAGGGGTTGAAAGCAACATGCTACCCA
TCGTTTATGGAGCAACTGGGATCTACTGCAACTGCTGTTGAATCCCGGTACAGATTGATGGCCAAGTTGTGA
CAAGTCGTGGGCCTGGTACTACCTTGGAGTTTGCTGTTGCACTTGTTGAGCAATTGTATGGGAAAGAAAAAGC
CGATGAAGTTTCTGGACCTCTGTTGTTGCGTTCCAACCATGGTCATGAATATACCATAGCTGAGCAAAATCAAG
TGAAGTGGACATTTGATGATGGCCCAAGGATTCTGTACCTATTGCTAATGGTACTCAGAAAATGGAGGCTGT
TATGATCATTGACATTCTTCGGAGAGCTAAAGGGAAAGTGAATGGTGGCTTCTGTTGAGGACACGCTAGAGATT
CTTGATCACGAAAAGTTAACTGGAGGCAGATTTACTTCTTGACGGAGCTGCTGAACAGTCATACGATCTAA
TTGTTTTGCCTGGAGGGCTTGGTGGCGCAGAAGCGTTAGCAAATCTGAAAAACTGATTAATTTGCTAAAAAA
GCAGAGAGAATCAAACAGACCCTATGGAGCAATATGTGCATCCCCTGCTTGGTCTTAGAACCTCACGGCTTG
CTGAAGGATAAGAAAGCTACTGCTTTTCTGCATTATGTGACAAATTGTCCGACAAAAGCGAGATTGATAACA
GAGTGGTGGTTGACGGAAACCTGATTACAAGCCGGGGACCAGGAACAACGATGGAGTTTTCTCTGGCAATCG
TAGAGAAGCTTTTTGGAAGAGACACGGCAGTTCAGCTGGGAAAAACAATGGTCTTCATTCAGGATTAGAGGT
CAATCCAGCGTTTTTCTCACTGTGAGTGTTCCATTTCTTAACTACCATGGATGAGTCGAATAACTTTTGTATAA
CTTGAGAGTTGGATTCTCATTTTGATCTGTGAATCCACTTCTAAATTTGTATATATGTTT

>trans_s_430 XM_002869519|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cop1-interacting protein 7 (CIP7),
mRNA

CTTCTAGTAAGTTTGGTACTGCGAGTTCTAAGCCTGGTGTATCTAAGATTGAGAAGCCAAAAAGCCAATCCCA
GGTTCAAGAAGCCAAGAAGTCACCTAAGCCTGTACTTAGGAGTTCAACCATAGATCGCCTTGCAACTGCTCGT
ACACCTCAGAAAAGTATCTTCAACTCAATCACCATCAGTTCAACCAAATAAGCCAATCTCGAGAGCAAATGGCAT
TAGGACTCCTACCTCAGCGGAAAAGCTCCCTAAACTGACAACAACCGGATGGCAGGGAAGACGTAGCAG
CATTACGAGCTGAGTCAGAAATACGGAATGCAACTCAATCAATCGACAACATCGATGATGATATGGAAGATAT
TAAGGAGGTACACACTACCCATTCAAGTCGAGAAAAATGATGAACTTTTATTACTCAAGGAGATGCATTAGTT
GACAGAAGTGGTGATGCTAATTCAAATGACAAGGTTTTGTCTGTCCCTCATCGAAGATAAACTGAACAAAATC
AGTTTAAAGTTGATGATGACGATGATATCAATTTATCTAAAGCACCTTTAGTTCTTAGCGAAGAAAAAAATATT
TCTAATGGTCACAATGAACTTACTCCTGGAAAGATGGTCGATTTTGTGGTTTTGTCCGACAAAGCCTTAGGCCC
TTCAGTCTTGAATACTGGAGAAAATGGGGTAGCTGATCATATTGTAGTCACACCCGAAATTTCTGAGATCGAA
ATCTCAACTCCTCCTCCCTTGAGTAACGAGATGATCTCGAGTATACAACCCACTCCAGGAAGAAATGGATGA
GTGATGAAAACCTCCTAAAGCACCTAAAGGATTTAGAAAGCTGCTTTTTTGGACGTAAACCTGAAACACT
TCCACAGAATGATCCTTCATCTCTCTATTCTCTCGTTAATTCAATTCCGTGCTAGCCGATGATTGTCTTGAGTTGT
TTGTTGAGATTGAGTTGTTCAAGTAAACCATGTTGGATGGACTGCTTAAATTGTTTGATTATTCTGCAGATAATA
CGTGAGTGATGACTGAGACGAAGCAAATAGATGATCCTTGTCTTAATAAGGCCATGGATGATGATGCTGCCA
TGTTTGGATTTGTGTTGTAATTTAATATTGTTTCATTTTCTTACCCCTTTTCTATTGGAGTTGTAAAAGGTAAAGT
TTCTTCATTTTTTTTCTGAGAGTTATAAAAGGCATTGTTTCCTTATTAGTTTGTATAATGTTATACAGTGTAAT
AATTGTAAGTTCTGTTTATAAATTATGTTTGTAAATCAAACNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_431 BT009667|Arabidopsis thaliana At4g01860 gene, complete cds

ATCTAAAGTGGACATATCTGAAGCCAATACAGTAGGCTCTCAACCTGATTGTTCTACGTCTTCTGAACTGATTC
TAAGCACCAGCAATTCCTCTTCTGAGTTGTGTGACATACAGCCTATTCATGTTGTAACCAATGCACATCAATCT
GGCGTGAATTGTCTCCATGTAGCAGCCGTGAACAGTTCTGAATGTGTTAATAACTGTTACTTGTATCATGTGGT
CAGTGGTGGTGATGATCAAGCACTTCAATGCCTTACGTTTGATTTATCATTGCTTTCTGAAAGCCCTAGTTCTG
AGAAAAAGGAATCTGAATCTGAATGTGCAAAGTTTATATTTCATAGTGAAGACCATAATCACAAATATTTGGC
CAGGTTTCTCAGACCTCACAAAATTGAATCAGCTCACAGTTCTGCTATAAAAGGTGTCTGGACGGATGGAATT
TGGGTGTTTTCTACTGGTCTTGATCAAAGGATCAGGTGCTGGAACTTGAGGCACAGGGGAAGTTGGTCGAG
TATGCTTACTCGATTATTACTGTGCCAGAACCAGAGGCCATTGATGCTAGAGCCTGTGACAGGAACCATTATC
AAATTGCTGTAGCTGGAAGAGGCATGCAAATTATTGAGTTTTCTACATCTTGCGATTTTTGCAGAAGATGAAA
ATAGGAAAATAACTTGATTCGTGTTGCCTTGTAATTCAATTACAAGTCAGAACAATCCTACATACCCCTCACA
AGGTAATCGGAATCATCAAGACTCCTAGCCCATATGATCCAATAATTATGAACCCCTTGGGCTACCCCGTGTG
CTCTTCTCTTTCTTCAAGTTTACACAATAACTGACATTCCCCATACTTAAACCAATTATTTAATTAGAAAGCTG
AGAAAGCTTCTAAGCCATTCTTTCCATTAAAGAGTTGTTTTAGTGCGTCTTGACTCCTCTCTTCCATTCTTT
CCTTGATTTTTCTTTGGCCTTAAATGAATCTAGTGGGGCCCTATCAACTTGCTTTTTGATCTCTCCCTACCGTGG
ATTCTGCATATGGTCTCTTTTCAAACAATCGGTAGTCTGACCTTCTAAGAGAACTAGAAAGCTTTCCCGTATC
TTAATTTCTTTGAGTCATTTATAAGACATCGATGAGGAGAATTATAGGAGAATTAGTGATTTTAGTTAATATT
AGATTAGTTGTTAATTTATATTAATTAATTAGTGATTAGTATTTTTGGATTATTTCTGTTAGTTGTCATTTCTTTCTT
GCAAGGCTATAAATAGCCATTTTAGGAGTGTAATAAGAACTTTTGATCATCATCTTAATATAGAACTAAAGTT
CATTAGAGAGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_432 Y16262|Daucus carota mRNA for neutral invertase

CCAATCGACTCTGGGTTGTGGTGGATTATTTTGTTAAGAGCTTATGGAAAGATCACAGGAGATTACACATTGC
AGGAACGAGTTGACGTACAGACAGGCATAAGACTGATCCTTAATCTTTGCTTGACGAATGGGTTTGACATGTT

TCCTACCCTGTTGGTCAGTGATGGTTCCTGCATGATTGATAGACGAATGGGCATTCATGGACACCCACTTGAA
ATTCAAGCATTGTTCTATTCTGCCTTACGCTGCTCCAGAGAGATGCTGATTGTTAATGATTCAACCAAGAATTT
GGTGGTTGAACTCAACAATAGACTTAGTGCCTCTCCTTCCATATCCGAGAATATTACTGGGTCGATAAGAAC
AAAATCAACGAAATTTATCGTTACAAAACAGAGGAATATTCTACTGATGCTGTAAATAAGTTCAATATATATCC
TGAACAAATTCCTAGTTGGCTGGTTGACTGGATTCTGAGGAGGGCGGTTATTTTATTGGCAATCTACAGCCT
GCGCACATGGACTTCAGGTTTTTTACGCTCGGGAATCTTTGGTCTGTTGTGTCATCACTTGGGACTCCAAAACA
AAATGAGGGGCATTCTGAACTTGATCGAAGCCAAATGGGATGATCTTGTGGCTAACATGCCTCTCAAGATATGC
TTCCAGCCATGGAGTACGAGGAATGGCGCATAATAACTGGCAGTGACCCTAAGAACTCCTTGGTCGTATC
ATAATGAAGGTTCTTGCCAACTCTTGTGGCAGTTCACACTGGCTTGCATCAAGATGGGGAGGCCAGAGCT
TGCAAGGAATGCCATTGCAGTCACTGAGAAAAAGCTTTCAGATGATCGTTGGCCCGAGTACTACGATATGCG
CAGTGCAAGATTAATTGGGAAGCAATCACGACTCTTCCAAACATGGACCATCGCCGGTTTCTTGACATCCAAG
TTGCTTTTGGAGAATCCAGACAAGGCGTCTCTGTTGTTCTGGGAGGAGGATTACGAGATTCTTCAGAACTGCG
TTTGTGCACTCGGCAAAGGCAATGGAAACAAGTGCTCTGCCATCGCCAGCATCCGAAACCAAGTAATCCTAA
CCATTAAACCAATATATGTTTCTTGCTTCTAACGAATGATTCTTTGGAGGGGCTTTTTTTCTTCTCTCTGAT
TCTGTGTATAGAAAAATACAATTCTTGAGGCTCAAAGTTTTTTGAAGAGTCTCTAATATTCCTGTGGGAAT
TAATAATGTATGATTATTACCACTTCATTTATATGTAATCCAAAACGTAGTTTAAATCTTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_433 NM_105217|Arabidopsis thaliana zinc finger protein-related (AT1G65430) mRNA,
complete cds

TCCCACCATAAATGGAATCAGAGGATGAGCTCGACATGCACGATGCCCATGACGACGACGACTCTGTTG
ACAATGAGGAGGACTTCTACAGTGGCGGCGACGACGATGCTCTGGCATTGACAGTGACGATGCTGATGTCGG
TGATTATGAGTTTGTTGATAATGATTCCGACGATTCCGACGACATGGTTTCTATCGCCACCAGCAAACTATA
TAATCTTGCCGAGGCAGATATTCAACAATGTCAGGAGGAAGACATCACGAGAGTATCCACTGTTCTTTCTATTT
CAAAAGTAGCCGCTAGCATCCTGCTCCGATATTATAACTGGAGTGTGAGTAAAGTGCATGATGAATGGTTTGC
AGATGAAGAAAAGGTTTCGTAGATCTGTTGGCTTACTACAAAAACCAGTGTGCGACATTCAAATGAATTAGAA
CTACCTTGTTGATATGTTTTGAAATCTATCCACTTGATAAGATCCAGTCAGCTGCCTGTGGCCATCCATTTTGC
AATGCTTGATGGACAGGTTACATTAGCACATCTATCAATGATGGTCCAGGATGTCTAATGTTACGATGTCCACA
TCCATCCTGTGGTGCTGCTATCGATCAAGATATGATAAATCTATTAGTTTCTGAAGACGACAAAAAAAGTACT
TTCGTTATTTTGACGATCCTACGTGCAAGACAATCGGAAGACCAATGGTGCCCTGCTCCAGGATGTGATTAT
GCTGTAGATTTTATAGTTGGAAGTGAAGCTATGATGTTACTTGCAGATGCTCCTATAGCTTTTGCTGGAATTG
TACTGAGGAAGCTCATCGTCTGCTGATTGTGTCACTGTAGCTAGATGGATATTGAAGAATAGTGCTGAGTCG
GAAAAATATGAACTGGATATTGGCAAATTCAAACATTGTCTGAAGTGTAACGACCAATTGAGAAAAATCAAG
GATGCATGCAGCTTACTCGCACACCACCTGTAAATTTGAGTTCTGCTGGCTTTACCTTGGTCCATGGTCTGAT
CATGGAGAGAGGACAGGTGGATTCTATGCATGTAATCGCTATGAACTGCCAAGCAAGAGGGAGTGATGAT
GATGCAGAAAAGCGAAGAGAGATGGCAAAGAATTCTCTGGAGAGGTATACACATTATTATGAAAGATGGGCT
ACCAACCAATCGTCCAGGCAAAGGCACTTGCAATCTCCATCAAATGCAGACCGTGCATCTGGAAAAGTTAA
GTGACATTCAGTGCCAACCTCAATCACAGCTAAAATTCATAAGCGAAGCATGGCTACAGATTGTTGAGTGTAG
GCGAGTTCCTAAATGGACATATGCCTATGGATATTATCTACCTGAGCGTGAACATACCA

>trans_s_434 GQ869535|Fragaria chiloensis nodulin 26-like intrinsic protein (NIP2;1) mRNA,
complete cds

AAAACAAATATACATTGGTCAATCCTCTCTTTTTCTCTCTTTTCATGATTTACCCTTTTTGGGTCTCTATAAATTC
CATCTATTCTTCTGGGTTTTGGCACAATTCTGTGAAACAAACACAAATAAGTCTAACCAATCTCAAGAATCCTA

CACTGTCTTTGCTCAACTCTGTTTGCTTTTCTTCACTCAATCATATTCATGGCTGAGATTTCAAGGATCAAGCA
ATGGACATCATTCTGTTTCTTTGAACATCAAAGATGAATCCACCGCCATCACCAGCAGAGAAGTAGCAGCTGA
ATGGGTTTCTGTATCTTTCAATCAAAGTTGATTGCTGAGATTGTGGGGACATATTTCTTGATTTTGGTGGTG
GGGCATCAGTGGTTGTGAATTTGAGCAAAGACAAAGTCATCACTTTCCAGGGATTTCAATTGTTTGGGGTTT
GGTTGTAATGGTGATGGTTTATCCTGTTGGTCATATATCTGGTGCTATTTCAACCCTCTGTTACCATAGCCTT
TGCCACTACCAAGAGATTTCCATGGAAACAGGTGCCAGCTTATGTGATGTCTCAAGTTCTTGATCAACATTG
GCAGCTGGGACACTTAGGCTAATATTTAATGGACACGAAGATCACTTTTCAGGGACACTCCCAAGTGATTCAT
ATTTGCAAACCTTTGTGATTGAATTCATCATCACATTTTATCTCATGTTTGTAGTGTCTGGTGTGCCACTGACA
ACAGAGCTATTGGTGAACCTGCTGGACTTGCTGTTGGTGCTACTGTTCTTCTCAACGTTATGTTTGCAGGGCCA
ATTACAGGAGCATCCATGAATCCAGCCAGAAGTTTGGGACCTGCTATAGTATCAAGGCAATTCAAAGGGTTAT
GGATATACATTGTAGTCTCCATTTTGGTGCAATTACAGGTGCTTTGGTTTACAATACAATCAGGTTCACTGAC
AAGCCTCTACGAGAGATCACTAAAAGTGCTTCTTTCTCAAAGGACAAAGTCGCAGAGGTTTCATCTTGAGGAG
CTTTTGTCTTCTCACTTTCTAATTCATAAAGATGAAATTTTCTAAGTGGGGTTATAGCAAATTAAGAGCATT
TTCTTTTGTATTGATTGCATAGTTAAAGAAGATGGCATTACTCAAATTGTTATAGTTTTAGTCTTAGTTTATCC
AAAAAACATGGACACGAACAACGTCCTTACTTCACATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_435 D10703|Arabidopsis thaliana rd22 gene, complete cds

ATCTGCTTGATAAAATTCCTCAATGGGTGTTACATCTTATTATTCTATTTGGTTGGAAGTGGACGTGAATCTGT
TTATAACTTATCTCCATTATCACTTTCCTCCCTTAGATTTCTACTTTAAACGTTCAAAGTAATGGGAAGACCAA
CCCCACTAAGAGGTCTCTTTTGCTTTATCAAAGTAAGGTTTCAGCCTAAAGCAGAGTTCTCTGTTGGTAGGAG
GAGTATAAGAGACGGTCATCTTTATATCAGAGGGGTTGCTTGAGAAACAAAACTATCATACCGTGTTACGA
TAGAACAAATTAACACGAGGAAGAGATCATCACCAGAGAAAGATGGCTTTGCGTCTTGAAGTTACTTCTTGTT
CTTTCATCCTCCTTAGTTTACTCATTGCAGTGGTTGTACAACAAAGTTCTGCTAGGAAATTAACGGATGGCTAT
GATAAAGACATCGAACAGTTTGTGAATCTGAAAATTAATGATCAAACAAACACTCATATAAAGGAAGTTGATG
ATGGTCACCCGAAGATGAGCAAAAATCATAAGCATGCTCATGCATCATCTCACATGGAGCATTTAGATCCTTTA
TTATATGTTTTCTTCACCTTGAGTGATTTGAAAGTTGGAAGAAAAATGCCTATTTATTTCTTACTCAAGGCCA
TCAGAAACCCCAAACTTCTGCCTAAAGAAGAAGCGGATTCCATTCTTTCTCTACATCACAACCTGAATACCTT
TTAACTCTATTCTCTTTCCAAAGGACTCTCCCAAACCAAGCTGTTGAATATACTCTTAAGCAATGTGAGCTTG
AATCCATCAAAGGAGAGACCAAATTCTGTGCCACTTCTTTAAATCAATGTTGGATTTTGTACTAAAATGTTG
GGAGGTGATACCAATTGAAAGTCTTGACCACCACTCGTCTCTCCAACCTCACTATCCTCCTTCAAACTATACA
ATTTTGGAGGAACCTAGAGAAACAGTGCGTGCAGAAATGGTGACATGCCACAGCATGCCTTACCCTTATGCTA
TTTTTACTGTCATTGCCAAGAAAGCAACAACAGGCTGTTGAGATTTTGCTAGGGGCTGACAATGGTGACAG
AATGAAAGCAAGTGCCATCTGCCACATGGACACCTCTCAATGGGACAAAGATCATGCCTCATTTAAAGTTCTG
AAAATAAACCAGGTGCTTCTCATGTTTGTCAATTTCTTTCTACAGATAGTTTAGTTTGGTTAGCTGCCTAATGG
AACCGTCTAGATTACCTACACATATATTTGCTGTACGGTTGATTATTTCTTTTGATTAGTTCTTGGTTTGATT
ATAGGTGGTTTGTAAGTTTTATATACTTATTAGTGTGTTATT

>trans_s_436 BT006239|Arabidopsis thaliana At5g48970 mRNA, complete cds

ATGAAAATCTCTCCCTCACTCCTTCAATCTAGCCTCTTTTTCTCCTTTCCCAATTCTCACGTACAGACCTCTCTC
TCTCTCTCCTTCAACGTATTCAATGGCGGCTCTTCAATTCTCGCTGTTTCAGCCGCTGTTTCAGGTTGTAGT
TCGTACCTGAGGAGGCATGGTTTCTCCGCCGATGGAGGAGCCTGGACAATTGAAGCGCGCGATGATTGATTC
GACTGCTGGCGCAATTGCTGGTTGTGTATCTCGACGGTCACGTCTCCTCTCGACGTGATTAAGATCAGGTTTC

>trans_s_437 AY042890|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T6K21.50) mRNA, complete cds

>trans_s_438 AY690424|Lycopersicon esculentum cultivar Rutgers glucose-6-phosphate isomerase (GPI) mRNA, complete cds

TGAGGCATTGGCGCCAGACAACCCTCCACTTAAGATAAGATTTATTGACAATACAGACCCAGCAGGAATTGAT
CATCAGATTGCACAACCTAGGACAGGAATTGGAACTACTCTTGTAAATAGTGATCTCGAAGAGTGGAGGCACTC
CTGAAACTAGAAATGGTTTATTGGAAGTACAGAAGGCTTTTCGTGAAGCTGGCTTGGATTTTGCAAAACAGGG
TGTTGCGGTAACACAAGAAAATTCAATTGCTGGATAACACTGCAAGGATTGAGGGTTGGTTAGCCAGGTTCCCA
ATGTTTGATTGGGTGGGTGGTAGAACATCAGAAATGTCTGCTGTTGGTCTTCTCCAGCTGCACTTCAGGGAA

TTGACATTCGAGAAATGCTTGCTGGTGCTGCTTTGATGGATGATGCAACTAGATCAACTGAGATTAGAAATAA
TCCTGCTGCATTACTTGCTTTGTGCTGGTATTGGGCTTCTGATGGGGTAGGATCTAAGGATATGGTTGTTCTTC
CATACAAGGACAGTCTGCTATTGTTTAGTCGTTATTCGCGAGCAACTGGTCATGGAATCCCTTGAAAAAGAGTTT
GACCTTGATGGAATCGGGTTAATCAGGGGCTTACAGTATATGGAAACAAAGGGAGTACAGATCAACATGCC
TATATTCAACAACCTGAGAGAAGGCGTGATAATTTCTTCGTGACATGTATCGAAGTGCTGCGTGATAGACCCC
CTGGTCATGACTGGGAGCTTGAGCCAGGTGTTACATGTGGTGACTACCTTTTTGGTATGCTACAGGGAACAAG
ATCTGCACTCTATGCTAATGATAGGGAATCCATCTCAGTCACTGTTCAAGAAGTGACTCCAAGATCCGTAGGC
GCAATGGTAGCACTCTATGAAAGAGCTGTTGGATTATATGCCAGCATTATCAACATTAATGCATACCATCAACC
TGGTGTGGAAGCTGGGAAGAAAGCTGCAGGGGAAGTGCTTGCTCTCCAAAAGCGTGTCTTGNCAGTACTTAA
TGAGTCCAGCTGTAAAGAACCTGTGGAACCATTGACACTTGATGAAGTAGCTGAACGTTGTCATGCTCCTGAG
GATATCGAAATGATTTAAAAGATTATTGCTCACATGGCCGCCAATGATAGAGCACTGATTGCTGAAGGCACCTT
GTGGCTCACCTCGCAGCATTAAAGGTATTCCTGGAGAGTGATGTTGATGATCTGTATGCTTAGCCTAAAAA
CAGCAGTAATTGTTCTATATCTCATGCTGTTTGGATCTCTTAATAAAATTGAAAGTACTTTTGCTATTCGTGTC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_439 EF137253|Nicotiana benthamiana Impa1 mRNA, complete cds

CTATCAAATTTCTGCAGGGGCAAGCCACAACCTGCTTTTGATCTGGTCAAACCAGCACTTCAGCTCTTGCTCG
TCTTATACATTCAAATGATGAAGAAGTTTTGACTGATGCTTGCTGGGCACTTTCATACCTTTCTGATGGTACAA
ACGACAAAATTCAAGCTGTTATTGAGGCAGGTGTTGCCCTCGTCTCGTCGAGCTCTAATGCATCCTGCTCCT
TCTGTGCTTATTCCTGCCCTTCGAAGTGTGGAACATTGTTACTGGTGATGATTTGCAAACCTCAGGTTATTATC
CAACATAATGCCCTACCTTGCTGCTAAATTTATTGACTAATAATCATAAGAAGAGCATCAAGAAAGAAGCTTG
CTGGACTATATCTAATATAACGGCTGGGAACAAGGCGCGAATTCAGGCTGTTATAGATGCCAATATAGTTGCT
CCCCTTGTTTCATCTGCTCCAAAATGCCGAATTTGATATTAAGAAAGAGGCTGCATGGGCAATCTCAAATGCCAC
ATCTGGAGGCTCTCATGATCAGATAAAGTACCTAGTAAATCAAGGGTGTATCAAACCTCTGTGCGATCTTCTAA
TTTGCCCTGATCCTAGGATTGTCACGTTTTGTTTAGAAGGGCTCGAAAATATCTTGAAGGTAGGAGAAGCTGA
AAAGAACACAACCTGATACAGGAGGAGTTAATCTTTATGCTCAATTGATTGATGATGCTGAGGGGCTAGAGAA
AATTGAGAATCTACAGAGTCATGACAACACTGAAATTTATGAGAAGGCAGTGAAGATCCTCGAGACTTACTG
GTTGGAAGAGGAAGACGAGACTATGCCACCGGGTACTGCTCCCCAAGGAGGATTCAATTTTGGTGGCGATCG
ACCCGTCGTACCATCCGGGGGATTCAACTTTGGCTGAGAAGGCTTTCTCCGAGGCTATTTGACCACATCTCCA
GTCACATCGAGTCAGGTCAGGCGTGTTATGTCGTTGTTTGCCTTGCTTATCCAGTCTCAGTTATATTTAGCG
TGTTGGTTGACTGGGTTGAATGCTTTTTACATGAGTTGGGATTGACTGGTGATGAGACAGTGGAATATATAT
ACACTATGTCAATTGGTAATATAGTTTCCACAGATCTGAGAAATCAGAGCGATTTGTTTTGGGCAAACCTGTGAT
TTTTTATTGTTTTTCTTAGTTGGTCTACTTGTCAGAAACATGGAGTCTAAGCATTGCTTGTTCCCTCCCTTTTA
CGTCATTAGCTTCTATATTTTTTTTGTTCATAGTTTTTCCATAGAGCAACTTTTAGATTTATAGCAGATACCATT
TTGGCTAGCTGGCTTCTATATGTTGTTACTTTTAAAACACACATGC

>trans_s_440 NM_001189880|Oryza sativa Japonica Group Os12g0170200 (Os12g0170200)
mRNA, complete cds

AAATAAATTGTTAAAAGGACTACCAAATCCAACATCTTGCTTTGGGCCAATATTTCTACCAATTTGTTGATAGC
AATCTCTTGCTTCCTAATAATTTCCCAACACAATCTTGTCGTTGCACAATAATACAAGCCATGTTGGTTTGCTTC
ACTTACTTCACTCAATTTCTATCATCTCCTTCAATTCCCCTTCTTTCTTACGAATCGGAGCCGAGAATTCTGC
ACAATGCCTCCGATTTCTCTGCAACTCACCCCTTCATTTCCCCTACTCCACCGCCCTAATCTCTGCCTTCACC
GACCCCCAATTCCCCGTCTCTCGCCGCCAGATCACTCACCATCCGATCGGTTCAACAAAATAACGAACACCCA
TCTCCGTCGCCACCGCCCAAACCCACTGGTTTGGACGATTTTCTTCCACGGCGGCTAGTCTCTACCCTCTCTAT

GTGACGGCTGGCGGGATTGTTGCTTGCCTCGAACCTCGACCTTCTCGTGGTTTGTGCAGAGAGGGCCGAGT
TCCTATAGCTTATCTCTTGGTTTGATTATGTTGGCCATGGGACTTACTCTAGAGATCAAAGATTTATTTAATTTG
TTCATGCAAAGACCTCTTCCATAATGTTTGGATGTGTAGCTCAGTACACAATTATGCCGGCTTCTGCAGCGGT
GGTCGGAAGATTTTTGGGGCTTCCAGTCACTTTGTCCGGTTTGATCTTGCTTGGATGTTGCCCTGGAGGAT
CTGCTTCCAATGTGTATGCACAACCTAGGAGCCGTAATTTCACTCCCTTCTGACAAAAGTTCTAGTAGGAG
CTTATATTCCAGTCGACGCTGCACAGCTTCTCTCAGCACCTTCAGGTGGTGGTAGCTCCTATCCTCTTAGGTT
CTTGGTTGCAAAAAGCATTTCCCTTCCCTGGTGAAATTGGTGTTACCATTTGCACCACTTGTTGCTGTTTTAACT
TCCTCGCTGCTTGTAGCAGTGTCTTCTCGGAGAATGTCATTCTGATCAAATCGTCAATGGTTAGTGCCACATT
GGCCTCTGACGCATCTCTATGGACAGTCCTCAAAGTATATTATCAGGAGAGCTGGGAGTAGTAATACTTTTCG
GTGTTTTGTTTACACTTTGCTGGTTTCTCGTCGGGTATATAGCAGCTGCTATCTGCGGGTTTCAAGAACGAGA
ACGAAGAACTATATCCATGCAGGTTGGGATGCAGAATTCATCACTGGGAGTTGTTTTGGCAACCTCACATTTT
AGTTCAGCAATGGTGGGATTGCCTCCAGCAATTTAGCTGTGATAATGAACATAATGGGGGAGCACTCTTGGA
TTTTGTTGAAAAATATTCAACTTCTGATGAAGTGAAAA

>trans_s_441 HQ156465|Cucumis sativus cultivar zaoerN glyceraldehyde-3-phosphate
dehydrogenase mRNA, complete cds

ATATTCCCAACTCCCTCACATTTCACTACTCTCTTTCTTCTCTCGAACCTTCTCCAACCGATCTCCTAACTTTC
TCATCAACCAATGGCCAAGATCAAGATCGGAATCAATGGATTGGAAGAATCGGCAGGTTGGTTGCTAGAG
TTGCTCTACAGAGAGATGATGTTGAACTCGTTGCTGTTAACGATCCTTTCATCACTACTGATTACATGACCTACA
TGTTCAAGTACGACAGTGTTACGGTCACTGGAAGCACAGTGACGTGAAAGTTAAGGACTCTAAGACCCTTCT
TTTTGGTGATAAGGCTGTCACTGTTTTTGGCGTCAGAAATCCGGAGGAGATCCCATGGGGTGAGACCGGTGC
GGAATACATTGTAGAGTCTACCGGTGTTTTACCGACAAAGACAAAGCTGCTGCTCATTGAAGGGTGGTGCT
AAGAAGGTTATCATCTCTGCCCCAGCAAGGATGCCCCATGTTTGTTGTAGGAGTTAACGAGAAGGAATACA
AGCCGGAGCTTAACGTTATTTCTAATGCTAGCTGCACAACCAACTGCCTTGCTCCTCTTGCAAAGGTTATCAAT
GACAGATTCGGCATTGTTGAGGGTCTGATGACCACTGTTACGCAATCACTGCCACACAAAAGACTGTTGATG
GACCATCCAGCAAAGACTGGAGAGGTGGAAGAGCTGCTTCATTTAACATCATTCTAGCAGCACTGGAGCTG
CCAAGGCCGTCGGCAAAGTCCTTCCAGCATTGAATGGGAAATTAACCGGAATGTCTTCCGTGTTCTACCGTT
GATGTCTCTGTTGTTGATCTTACAGTGAGGTTGGAAAAGGCAGCCTCTTATGAGGACATTAAGGCAGCTATCA
AGGAAGAGTCTGAGGGAAAATTGAAGGGAATTTGGGGTAACTGAAGACGATGTCGTGTCATCTGACTTCG
TGGGTGACAGCAGGTCAAGCATCTTTGATGCCAAGGCCGGAATTGCATTGAACGACAACCTTTGTTAAGATTGT
CTCGTGGTACGACAACGAAGTAGGATACAGTACTCGAGTCGTTGACTTGATTGTCCACATCGCCTCTGTCCAG
TAAGATTGCTTGATGAAGTGAAGGGTCTTCTTAAGGTTCCATGGTTTGTTCTTGTTCCGTTCCAGTACTAGAGA
GACTCAGCGATGAGCGAGAATATGTTGAATAAAACAGAGTTTTCAAGCCGCCAGTTATTTATATTTCTTAAGTT
GTACTGTCTTGTCTTCTTTTTTTGTTGAGACGATGTTGTGTGGGATTTCCACCCCTCTAGCGTGTGTATTTGTA
ATGTTTTTTATTTGTAGCAAAAACCTCCCAACTCGAAATAGATTTGGTTTTTCC

>trans_s_442 NM_001064715|Oryza sativa Japonica Group Os06g0643700 (Os06g0643700)
mRNA, complete cds

ATAACTTATTCCTCTTTTCAAAACACTTTCTTCAAAATTCTCAATTTCCAATCCATCTGCTCTACACAAGAACAAC
AACAACAACAACAACAACAACAAGATTTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGACGAACCA
ACAGAGCAAATATGGAGAAAAGAAAACAGAGCAGCCAAGAAACGAGGGAGGAATTCGATTGGTTTCCTTC
AAGGAATTGCCGATTATATGAAAGATAATGAGTTCATTCTTCATTATTATAGAGCCCAATGGCCTTTGAAGCG
TGCTCTTCTAGCGTTTTTCAATGGCACAACGAAACCTAAATGTTTGGACGCATTTGATTGGATTTGTTTTGTT
CTTGGGATTGTGTTTGGCGAATTTGATGGAAGAAATCCTCAAGTGCGGATCTCTCGGCTTTTTTCCAGGT

CCATGCTCACTTCTCTCTATACAAACATTTCTCCTATGCTTCAAAAAGATTTTCATTGGAAGCACAGCACCAGAGC
TAATGGAATTAGCCGGAACCATCCTCCCATACGACGGCCCCGCCACTTCCGTTGGCCACATAAATTCAATAATA
ACCAACAGATCGAGCACAGAACGGTGGCCGTTCTTCGTATTCTTAAGTGGCTCAATGTTCTGTCTTCTCTCAAG
CAGCATTTGCCATCTCTTTTGTGTGTCATTCTCATCCTCTAAATATCCTATTACTCCGAATAGATTATGTCGGAATC
ACCGTCATGATCATCACCTCCTTTTCCCTCCAATTTACTACATCTTTCAATGTGATCCCCCTCTGGCAAATCGTCT
ACCTCGCCGGAATCACCTCATGGGCACTTTCACAGTCGTCACTCTCCTCTCTACCTCTCTCTCCACCGGAAAAAT
TCCGGTCATTAGAGCTCTCCTCTTCGTCTCCATGGGCCTCTTCGGCATCATTCCAGCAATCCACTCGGCGGTG
GTTAATTGGGGAAATCCTCGCCGGAATATAACTCTGGCTTACGAGGGAGCGATGGCTCTGTTTTACCTAAGTG
GAACCGGGTTTTATGTGAGCCGGGTACCGGAAAGGTGGTTGCCGGGGCGGTTTCGATCTGGCGGGACATAGC
CATCAATTGTTTCATGTATTGGTGGTTTTTGGTGCATTGGCCATTATGGTGCTACTCTTGTTTTGTTGGAGTGG
CGTCAGAAATTTGGGTGTCAAAATTTCAATTAGTACCCAATTGTTTAGTTTATATTTGTAATTTGGGAATTTATG
GGCTATAATTTATTGATTTATTTATTAGCTATTTTCTTCGATTTTCTCACAAAATGGGGGATGTCGGTTCCTG
TTTTCTTTGAAATTAGAAGTGCTTATTGTAATAAATAAA

>trans_s_443 AY365247|Cucumis sativus hypersensitive-induced response protein mRNA,
complete cds

AAAGCCAAACGCGCAAAGCAAATCAACCATTTTCTCTGCCAACGGATTGAACGAAAAGTATAATCACCGCTG
CAAATTACAAAAGCGAAAGCCCGTCGTTTTCTGTTTGTTCCTTCGACGCAATCACTTCTCTTTCCGTCTTTCCT
TCTATTTTCATAAGGATCACCTAAATTTTGATTTATTCGATTTCTTTTCTGGACATCAACAGTGATTTTTGTTGATA
ACTCAGAATGGGTCAAGCCTTAGGTTGCATTCAAGTCGACCAGTCAACTGTAGCAATCAGAGAAACGTTTGGG
AAATTTGACGATGTGCTTCAACCTGGTTGCCATTGTCTACCATGGTGCCTTGGGAGCCAGATAGCTGGTCATCT
TTCTTTACGTCTCCAGCAGCTTGATGTTGCTGTGAGACAAAGACAAAGGACAATGTTTTTGTCACTGTCGTTG
CCTCTATTCAATACCGAGCCCTAGCAGACAAGGCTTCAGATGCTTTTTATAAGCTTAGTAATACAAGAGAACAG
ATCCAGGCATACGTTTTTGATGTTATTAGGGCAAGTGTTCCAAAGTTGGACCTAGATTCTACTTTGAAACAGAA
GAATGATATTGCAAAGGCCGTGCAAGATGAGCTGGAGAAGGCCATGTCAGCTTATGGATACGAGATAGTTCA
AACTCTAATTGTGGACATTGAGCCAGATGAGCATGTAAAGCGAGCAATGAATGAAATAAATGCAGCTGCGAG
ACTGAGAGTTGCTGCAACTGAGAAAGCTGAGGCAGAGAAGATATTGCAGATTAAGAGAGCTGAAGGAGATG
CCGAATCCAAGTATCTGGCCGGGCTTGGTATTGCACGGCAGCGTCAAGCCATTGTTGACGGGCTCAGAGACA
GTGTACTAGCATTTGCTGAAAACGTCCCTGGAACGACGTCTAAGGATGTCATGGACATGGTTCTTGACTCA
ATACTTCGACACGATGAAGGAGATTGGAGCGTCATCAAAGTCTAATTCTGTGTTTCATCCACATGGACCTGGT
GCAGTTAAAGATATTGCTTCACAGATCAGGGATGGTCTTCTTCAAGCAAGCCAAACTCAGTAGATGGGTCAAG
ATTGAAGATACTTGTGAAGATGGTATATATTAAGTGTGTAGAATATGATATTTGTTTGTGTATGGGTTTGGT
TGTTTTGTTTAATTTGCAAATTTATGTTCTGTGTTACGACTGATACATATAGTTATCTTTAAATGAATAGTGCTC
TAAATAAATAGTCACTCTCTTAATCAAGTGATTTTAATAATAAGCCTTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_444 AY279314|Gossypium hirsutum delta-12 fatty acid desaturase 2 (FAD2-4) gene,
complete cds

ATCCCGAACCTCTGCCTTGCAATCCAATGCTGTATTCAAGTCAAGCTCATACAAATTCACAGATGAATAAATTC
CTTGAGACCATGGCTGATTGGTATCGATATGCTGATAACAGAAAGAAAATTGTTGGGTTTTGTGCATATGTTA
TTCGTAGCTCATTAGCTAAACTCTACGCTGCTAGGTATCGACTAAAATCTCGAGCCAAAGTATATAGGATTGCA
TCGCGGAATTTAAGCCGTCCGTTGATAGAGAGTAGTAATAATTCAGCACCCGAGTATTCTGATCTTCTGAGAA
TGGGACTTGTAGATGCAATTGAAGGTGTGCAGTTCTCCCGCATGTCTATGATTCCTCTTGATTACACTCCC
CTCCCTCGGAACTGGGTCCCATATCATGAGAACATATTGCGAGAGTACATAAAGTTGCAAATCCAGGGTTAT

ACTCTGAATTGCATAGCGTAGTCAAGAGACAAGGGTTGAGTTTGCCTCAAGAGGAGATATCTGAAATTGTGT
GGAGCTACAAAATCCTTGGTTCCTGGCACTTTAAGACTAATGTAGGAAATGAAATGGAAGGCGGTTGAAGAA
AAAATGGGAAGCGTGTGTGTTAAGTTTGCCATGTAATACGAACTGAATTGAACGACGGGTACTTCCAGAGTTG
GTTTCGTCGACTGAGTTTGGCACACGTTTCTGGACAGGTATGTATTTTACTCTCATTAAAGATGCAAAATCACTGA
AATGTTAAAGGCAAACCTCATCAGTCCACGGAGTTCTTTTGGTCATTTGTTCCGTAGATCATATTGATTTGTTT
CCAACCAAGAGAATAATTACATTGATAACGAAATTACAGAGAGGGGAAATCAAGAGACAACATCACACAATAA
CAAGGGAAGAGAGATAAATGCCTCTACGCTTTGTGGAATAAGGTACTGCCTGAAACCACCATAGTATGGAAC
TTTTGGTGCATATTCTATTTAATTCTTTACCACATGTCTTGGTGTGGAAGTTATTCAATTTTGCCTTGACATGGA
CAGAAATCCAAGCCAGAAAACCGTAGGAAGTGCTTCTGATTTTTCAGTTTCTATCAGTTGATTGTAAAGAGAA
AAACATAATTCGTATGATTGGATACACTTCTTAGGAACCAATTATAAGAGAAACAAAGAAAACCTATATTGCAC
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCC
CAAAAAATTTTAAAAAACCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCCGGACCCCATTTCCCCCAA

>trans_s_445 NM_001062278|Oryza sativa Japonica Group Os05g0458100 (Os05g0458100)
mRNA, complete cds

ACTCAATCCCGCGCTTATGGCCAACAGCCGCGACGATCCGACCCGCACCCGATATTCGTCTCAGAATCGGC
CCGATTTTTCCCATTCCTTCTGGATAAGAAAAAGAAGAACTCATAGGTGGAAGTAATCTTGGATCTCA
ATTTTCAAAGTAAAGAACCAAACTGAGTATATTCACACTTGGTGAGCAATGGGCGATACGATAGACTTAA
CAGGGAATGGAGGTGTTCTGAAGACGATTGTAAAGCATGCCAAAGCCGACGCTGATGGTCCAACCGATGACC
TTCCTCTTGTTGATGTACATTATGAAGGAACTCTAGCAGAATCTGGCGTAGTATTTGATTCAACTCGCGAAGAC
AATACTGTTTTCTTTTTGAGCTTGGAAAAGGATCCGTGATCCAGGCATGGGAAATTGCCGTCAAGACAATGA
AGGTCGGAGAGGTTGCAAAAATCACATGCAAGCCAGAATATGCTTATGGAGTTGCTGGTTCTCCACCGGACA
TCCCACCAGAAGCAACTCTTATCTTTGAGGTGGAATTAGTGGCCTGCAAGCCCCGGAAAGGTTCAAGTCTAGG
CAGCGTTTCTGAGGAAAGGGCTAGGCTGGAAGAGTTGAAAAGGCAAAGGGAGGCTACTGCTGCATTGAAAG
AAGAGGAGAAGAAAAAGAGAGATGAAGCCAAAGCAGCGGCAGCTGCTCGGATGCAAGCCAAGTTAGAGTC
CAAAAAGGGCGGAAAGGGGAAGAGCAAAGCAAATAATTTTCATGTTACAGTGTTAAAAGATCAGTTAAACAA
AATAATGAGATAGAACTTTGGAGTCATGGATTTGTAATACATTTGAATTTGCTAAATACATTTGAATTTGCT
GTAGCAAATAGGATGATACAGTGAAATTGAGTCACGTTGCTTAGTATTTTCATTGTATTCTGGATATTAATAA
GCATTTTGCTTGTAATTCACCGATTAGCTGAGAATAAAAAGACCTTTTTTTACCGCCAGATGATTTCTTTTT
GGTATTTAGCTATAGAGGGTTGGAATAATACATTGAAGACAGTGAAAGAACAAAATTCTCCTCACTCACAATG
GTCAGAGACTATATCACAAACGATCAACTTCAAGAATACAATTAATGGCTCGTCAGAAGTTCAAAGATATACA
AAACGGCAACTCCAATTTCTGTAATCCCTACCTAAACCTAATTACACCATGTCTGCCCATATCCTTTGCTTTTAA
TAAGGCATCAAGCATTGTTTGATAACTTGCTGTGCATCCAGGACTAAACCATATAAGCATCGGTTTCGCCTTGC
CCCTGTTCTGACCATCCGGATACTGCTCTGAATTTACAGACAGGGCACGTTCCCTG

>trans_s_446 X75327|P.sativum (Rosakrone) mRNA for nonphosphorylating, NADP-specific,
glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase

AGGTGTTAGGATTTTGGGTGAAGGGAAGTTCTTGGTTTCTGATAGTTTCCCTGGAAATGAAAGGACCAAATAT
TGCCTTACTTCCAAGATCCCTCTTGGTGTGATTTTAGCCATTCTCCATTCAACTATCCTGTCAATCTGGCTGTTT
CAAAAATTGCCCCGGCTTTAATTGCTGGAAATTCTATTGTACTGAAGCCTCCAACCTCAGGGCGCTGTTTCTGCT
CTCCACATGGTACATTGCTTCCATCTAGCTGGTTTTCTAAAGGCCTTATTAGTTGTGTACGGGAAAAGGTTT
CGAGATTGGTGATTTCTCACAATGCATCCGGGTGTGCGACTGTATAAGCTTTACCGGTGGGGATACCGGTATT
GCAATTTCAAAGAAGGCAGGCATGATACCTTTCAGATGGAATTGGGGGGAAAAGACGCCTGCATTGTGCTC

GAGGATGCAGATCTTGATTTAGTTGCCGCTAACATCATAAAGGGAGGCTTTTCTTACAGTGGCCAAAGGTGTA
CTGCCGTCAAGGTTGTTTTGCCAATGGAATCTGTGCGAAATTCTTTAGTCGAGAAAGTAAAGGCACGAGTGGC
TAAATTAAGTGTGGTGGCCCTGAAGACGACTCAGACATTACTCCAGTTGTGACTGAGTCATCGGCCAATTTCA
TTGAAGGGCTGGTTATGGATGCAAAGGAAAAGGGTGCAACATTTTGCCAAGAGTACAAAAGAGAGGGCAAC
CTAATTTGGCCCTTGTTATTAGATAATGTTAGGCCTGATATGAGGATTGCATGGGAGGAACCTTTTGGCCAG
TTTTGCCAGTCATTAGGATCAATTCTATCGAAGAAGGAATCCACCATTGTAATGCTAGCAATTTTGGACTTCAG
GGATGTGTCTTCACGAAGGACATCAACAAGGCGATATTGATAAGCGACGCAATGGAAACCGGAACAGTTCAA
ATCAACTCAGCACCTGCTCGAGGACCCGATCATTTCCATTCCAGGGAACCAAGGACAGTGGAAATTGGTTCTC
AAGGTGTTACTAACAGCATCAACATGATGACGAAAGTGAAGACCACAGTTATCAACTTGCCAACACCGTCCTA
CACCATGGGTTAGTTAGTTTGTGTTAGCTTTATGATCCAGCTTTATGCCTTAGTTTTAATCTAAGTAGTGTGA
AAAAAAAAAAAAAAAAACATATGTGGTGCGAGTTTGTGTTGAGCTCTTCAATATTATCTTCATCCTCTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGAGTTTCATGCTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_447 D28777|Citrullus lanatus subsp. vulgaris mRNA for cysteine synthase, complete cds

CCCTGCTCTCGGATTCTCAGATAAGCTTTCGCTGCTGCATACTTGTTGCCCAAATGGTTGATACAAAGTCTAC
AATAGCTAAAGATGTTACTGAACATAATTGGGAATACACCACTTGATATCTCAACCGTGTTGTTGATGGCTGCG
TGGCTCGGGTAGCTGCCAAGTTGGAGATGATGGAGCCTTGCTCTAGTGTCAAAGATAGGATTGGCTATAGCA
TGATTTTCAGATGCAGAAAAGAACGGTTTGATCTCTCTGGGGAGAGTGTCTTGATTGAACCTACCAGTGGTAA
TACTGGTATAGGCTTGGCCTTCATTGCTGCTGCCGAGGGTTATAAGCTTATAATTTGCATGCCTGCATCAATGA
GTCTTGAAAGAAGAACCATCCTTCGAGCTTTTGGAGCTGAACTGGTTCTCACAGATCCAGCTAGGGGGATGAA
AGGCGCAGTTCAGAAGGCCGAAGAGATAAAAGCAAAAACACCTAATTCTTACATCCTTCAGCAATTTGAAAAC
CCTGCTAACCCAAAGATCCACTATGAGACCACTGGCCAGAGATATGGAAGGGATCGGGTGGAAAGGTTGAT
GCACTTGTCTCTGGTATAGGGACTGGAGGTACGGTGACAGGTGCAGGGAAGTATCTCAAAGAACAAAATCCT
AGTATTAAGTTATATGGCGTGGAACCTGTTGAAAGTGCAATTCTATCTGGAGGAAAGCCTGGCCACATAAAA
TCCAAGGAATTGGGGCAGGCTTCATCCCTGGAGTTTGGACGTCAATTTGCTAGATGAAGTTGTTCAAGTATC
AAGTGAAGAATCTATTGAAATGGCAAAGCTGCTTGCAATTGAAAGAAGGTCTACTGGTTGGTATATCATCCGGT
GCTGCTGCAGCTGCTGCAATTAAGCTTGCAAAGAGACCAGAAAATGCTGGAAAACCTATTGTTGCGGTGTTCC
CGAGTTTTGGAGAACGATACCTCTCAACTGTGCTGTTGAGTCTGTGAAACGAGAGACCGAGAATATGACTTT
CGAGCCATGAGAAGTTTAGGTGATATTTCTTGCTTCAAATGGAGCCAGACAGTTAGAATTTCTCGGCAAT
ATCACATGAGTCAAAGCAAAGAAAGAAAGTGAACCTCAAGCGGTTCTTTTTTAGCTTTCTATTCTTTTGCATAT
TCCTGTAGTGATTTGAATAACTTGTTCTTGAATGGCTTCTTTCTTATGGTTTGCTTAGTTTGTAGTAATAAC
ACCGAAGCAACTGAGAATAAGGATAGTCTTTCATGTGTTCCCTTCACTTGAATAAGGTTATTGAATGAGTAGTT
TCTTTGTGAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_448 XM_002889363|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Os01g0254000, mRNA

AAATAATAAGAAAGAGGAAATTAATTTAATTAGAAGGAATTGGATCCGAAATAGAGAAAGGAGGGGAGAG
GAGAGGAGAGGAGAGGAGAGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGATATTTTGATTTACATTACA
GTTTTACATTACAACCCAAACAACAACAACAACAAAAGCTGTATTTTCGATCCCTTTCCTATTTCTCCCAT
CTTCTTCTCCAATCCCAATCCCAATCCCAATCTCAATTCCACATCCCTTCTGGGTTTCAGATCGAAGACCT
TAACCATTGAGATTCCTTAATCGCCGACCTAGATCCCTCCGATCTGCTTCCCAATGTTCTCATTGACTGGTT
CTATGGCGTCTTGGCCTCCCTCGGTCTCTGGCAAAGGAGGCCAAGATCCTCTTCTCGGCCTCGATAATGCA
GGAAAAACACCCTCCTTCATATGTTGAAAGATGAGAGGTTAGTTCAGCATCAGCCTACCCAGTACCCACGT
CCGAGGAGTTGAGTATTGAAAAATCAAATTCAGGCCTTTGATTTGGGCGGACATCAAATTGCTCGTAGAGT

CTGGAAGGATTATTATGCTAAGGTAGATGCTGTCGTGTACCTGGTTGATGCCTTTGACAAAGAGAGGTTTGCA
GAATCAAAAAAGGAGCTCGATGCTCTTCTCTCTGATGAGTCTCTTGCTACTGTGCCATTCTTATTTTGGGCAA
CAAGATTGACATTCCATATGCTGCCTCAGAGGATGAATTGCGGTATCACCTCGGTTTGACCAACTTCACCACAG
GCAAGGGAAAAGTAAATCTGGCTGATTCAAACGTACGTCCATTAGAGGTATTCATGTGCAGTATTGTTTCGCAA
AATGGGCTATGGCGATGGTTTCAAGTGGATGTCTCAATACATCAAGTAGGTGAGATCAATAGAGTATGTCATA
CAGTTTCATGAATTGATGAAATCCCACCGTCCAAAGCCCCTTCAAGTCGTCAACGTACGGATTGCAGTTTGATA
TTCAGTGTGTTAAGAGGGGCTTTAAGTTGAACTTTTTTTTTGCTTTTCAGATGATGTGTGGAAGGAGGTACTAAT
GCTTACTATGTAAAAATTCATTTCCTTACCTCAAGTTTATTATTTTTGACATTCTTATCTCTCTTGTATTTCATCTG
ACTGGTTAGATGCGCTTTTCTAATTGTTGTTTTTCAACTCTAGTTACAGGTGGAAGGTCTGAGAAAGTAAAAAC
TTGGACTTGAGGGGCATTTCATGAAAACCTTGATTAAGATATTTTTTGGGGTTCTGAATAAGAAATCATAGCTGT
TTTTTGAAAAA

>trans_s_449 AF480487|Nicotiana tabacum Rar1 (Rar1) mRNA, complete cds

ACAACCCGCACTCTTTTCGTTTTGCTTCAGCCGAACAGCAGCGTCCCATCGCCGGACCTTCTCATCCACCCACCT
GTTACGTCTCCGGTAGAGTCAAGCGAATCCGGCGAACAACCTGCGTCGCGACGTCCAATATCGTGAGCTGTGTC
CTCCACGACCCGGTGACGTTTTGTGACGGGCGACCCCTCAGTTCTCGCTTTCAGAAAGCTTTCGTCCTTTTCGCTA
TGGAGCAACAGATTGTTGGGCTTCGCTGCCAGAGAATTGGCTGCAATGCCTTGTTCACTGAGGAAGACAATCC
CAAAGGTTCTGTCAATACCATGATTCGGGACCTATATTTTCATGATGGGATGAAAGAATGGAGCTGTTGCAAG
AAAAGAAGCCACGACTTCAGCTTATTTTGGAGATTCCAGGATGCAAGACCGGAAAACATACAACTGAAAAG
CCAGTTTTGACCAAGCCAACCACTGCTGTTAAGAAGTTAAGTCCTCCTTGTCTTCCATGACAAATGCATTAGG
GAAAGAGTCATGTGCTAGGTGTCAGCAAGGTTTCTTCTGTTTCAGACCATGGTACACAAATTAAGGCACCAAC
AAATCTATTAATGAAACCTCAACTATACCCGGTGCAAGCAATACTGATACTCAGGCCCTCCAACAAAAA
AGAAATTGGTATTAATGAACCTCAGATCTGCAAGAATAAGGGGTGTGGTAAACTTTTCACAGAGATGGAGAA
TCATGAAACTGCCTGCAGTTACCACCCCGACCTCCTGTTTTTCATGATCGGTTGAGAGGGGTGAGATCATATA
TTTACTAACTTTAAAAACACCTTTTTTTTTTTTTGTCGTCATGGCGTTCAATTATAGATTTATCAACTACCGAT
ATTGATGCTTTCTATGTTTGATTTAAAGTGGCAATGCTGCAACATTCACGTTAAGGAATTTGACGAGTTCATGG
AAATTCCTCCCTGCTCTCGTGGTTGGCACAATGCCGATCCAGCATAACTAAACAACATAGCCATATAAGGTATT
GAGGTTCTTGCATTTTAGAAGAATGCACTAACCTTTGGAATTCTGTTTCAGTTGGTTTTTCTTCTTATTCGAT
GAAATCTCTCAATCTAGACAAATTTATATATTGCATATTTCTCCACTCCATCTCCTTCCAGAATTGATTGAACTA
CCAGAAGCTTTGCAAAGATAATCTATTTACTTCCGAGATAAATATCATAATAATTTATATGGTACAGGGTTTAC
CATGAACTTTTATTGGACTTGTTTTGTAGTACAACCTTGTTTCTATGAAGATATTGGAAGGTGGACTGGTTG
GTCGTATCTGATTCCGACATTCATTCCTTATGGCTTAT

>trans_s_450 NM_126994|Arabidopsis thaliana PIP; aminopeptidase (PIP) mRNA, complete cds

TTCACCATTGACGATGAGCTTGTTAGGCCTTTGCCCTAACAACTCCCCTTCTCCTCTTTTCTCCCTCTCCAATTT
CATTTTCGTCTCCCCGTCCCTCGCCTCTACAATCATTGCTGCCTGAAAGGGGCAAAGGTCCGGTCTTTACAGC
ACAATTGGGTTATAAAAGCGACAGGCAGAGTGAGTTCCAACCAAAGGATTTGATGGCTGGAGAAAAGGAAA
TTTCAGGAATAAATAGAAACCCTTACCCACCCATTGAGCCATACAGTACTGGTTTTTTGAAAGTGTGGATCTT
CATACTATTTATTGGGAGCAATCTGGGAATCCCACTGGTCATCCAGTGGTCTTTCTACATGGAGGACCAGGGG
GAGGAACTGCTCCAGGCAATAGAAGATTCTTTGACCCAGATTTTATAGAATTATTTATTTGATCAGCGAGGT
GCCGGGAAAAGTACACCACATGCTTGCTTGGAGGATAATACCACGTGGAACCTCATTGATGATATTGAGAAG
CTAAGGGAACACTTGGAATTCCAGAGTGGCAGGTCCTTGGAGGTTCTGGGGTAGTACGTTGGCTCTTGCTT
ACAGTCAACCTCATCCGAAAAGGTTACGGGATTAGTTCTTAGAGGGATCTTTCTTCTGCGGAAAAAAGAAAT
TGATTGGTTTTATGAAGGTGGTGCTGCCGCTATATCCTGATGCTTGGGAGTCTTTTAGAGATCTCATTCCCC

AAAGTGAGAGAGGATGTTTTGTTGATGCTTATAGTAAAAGAATGAATTCAAAGGATATGGAAACCCAATATG
CAGCTGCTAGAGCGTGAACCAAATGGGAAATGATGACTGCTCATCTTTGCCAAATGAGGAGAACATCAAAA
GAGGGGAAGATGATAATTTTTCATTGGCATTGCAAGGATTGAAAACCACTTCTCGTAAATAAGGGTTTTTTC
CCTTCTGATTCTTTCTGCTAGATAATATTGACAAGATACGACATATCAATGCTGTAATTGTACAGGGAAGATA
TGACGTTTGCTGTCCAATGATGTCTGCTGGGATCTTCATAAAGTGTGGCCGAAGCGGAATTAAGATCATT
TCCGATGCAGGACATTCTGCTAATGAGCCTGGAATAGCTGCGGAGCTCGTGGCTGCTATTGAGAAGCTGAAG
AACATCCTCCAGAAGAATGGACCATAGTAACACTCCCAAGTCTAAGTATATTTCTCACAATTCTACTCATCTAA
TAAACAAGTCAACGGAATCTGAAATAAATTGGGGGATGCCAAAGTGATTGTTTAGTGGCATTGTTAATGCT
TTGAACATTGGTCATTTCTGAAATGCAAAAGGTCAGAGAGACTTCCAACGA

>trans_s_451 NM_115723|Arabidopsis thaliana ketol-acid reductoisomerase (AT3G58610) mRNA,
complete cds

TCCATCTGTGAGGAGACTTTATGTACAAGGAAAAGAGGTCAATGGCGCGGAATTAATTCTAGTTTTGCAGTT
CACCAGGATGTTGATGGCAGAGCCACAGATGTTGCATTGGGTTGGTCCATTGCACTTGGTTCTCCATTACATT
TGCAACAACACTAGAGCAAGAATACAGGAGTGACATCTTTGGCGAGCGAGGTATTCTACTTGGTGCTGTTTCT
GGAATTGTGGAGTCCTTGTTTCCAGAAAGGTACACTGAAAATGGAATGGCGGAAGAGCTGGCTTACAAGAACACC
GTCGAAAGCATAACAGGAATTATATCAAGGACCATTCTACCAAGGGAATGTTGGCAGTGTGTGGGTCCTTCT
CTCCTGATGAGAAAAAGGAATTCGAGAGAGCATACAGTGCATCATATTACCCATGTATGGATATTCTCTATGA
ATGTTATGAAGATGTTGCCAGTGGAAGTGAGATCCGCAGTGTGTGCTTGTGGTGCACAACAATATGAAAA
GGAGGGTCTCCAGCTTTCCCAATGGGCAACATTGACCAGACCCGGATGTGGAAAGTTGGTGAGCGTGTCCG
ACAATCACGTCTGCAGGTGACCTTGGTCCGTTGTATCCTTTCACTGCTGGTGTGGATGTGGCATTGATGATG
GCACAGATTGAGATTCTGAGGAAAAAGGGCCACTCTTACTCTGAGATCATCAACGAAAGTGATCGAATCA
GTCGACTCTTTGAACCCGTTTCATGCATGCCCGTGGTGTTCCTTTTCATGGTCGACAATTGTCCACAACCTGCACG
ATTGGGATCTCGAAAGTGGGCTCCTCGTTTCGACTACATTCTACCCAACAAGCTCTGGTTGCCATTGACAACG
GTTTCAGCCATTAACCAAGACCTTATCAGTAACTTCCTGTCTGACCCAGTTCACGGAGCAATTGAAGTTTGCGCC
CAGTTGAGACCTACTGTTGACATTTCTGTTCCAGCTGATGCTGATTTCGTTACCCAGAACTACGTCAATCGAG
CAACTAAAATATGCCAACTGAATTAGATCGATCATGCTCGACGAAGGACTGCTGTATGTATCTACAAAATAT
GTACTGTTATCCTGATCTTCTTCAAGATCTAGTTTTTCAAGTTTACTATAAGAGTTAGTTGAGCGATTGGTAAT
AATAAATAGAGAATGTTCTGAGTTTTCTGTTGTTTGGCTAAGTCGTTCTGTTATGTAGACCTGTGGGGATA
ATTATCAACTCCGACTTTTATGGCATCTAATATTAGTTTCATCTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_452 NM_001056399|Oryza sativa Japonica Group Os03g0301400 (Os03g0301400)
mRNA, complete cds

AGACCACACTGTCTCCCAAGACCACCTCTCCATCTTCTTCCACGCCATTTACTCCCCTTCTTTTTCTCGCTTAACTT
ACGATATTCTTTGCTTTTCTGTTTTTAAATGCACCATATTCTCCATCAGGTTTTATTTTCAAGGTGAAGAAAATTG
CTTTGCGAGCAGGATTTTGTGGGTTTTCTGACTAGATTTCTTCTGTTGTGTTGGAAATTTAAATTTAGCAGC
TCCAATGTGCTTTTCAATCTCCGATTTCCAAAATTTGGAGTCCCTATTTTAGCTAACCTTTGGAGGGAAAACTT
TCATCCCTTGAACAGAAATCATGGACATAGTTGTTGGGATGATCAACTTTGTTTTAGGATCTATAACCTTGAAG
GAGGACAGAACAGGAGATGGTCCAGAAAATCTATGACTACCAAAGCGGGGGGAAAGCAAAGACCAACCCCT
AGCAGTAAACCCACCAATATTACGAATGAAATCTTGAGGAATCGATGTCGGCAAGCTGTACAGTTAACGTTA
ATAAGTCTGAGAAAAGTGGAACCTACAAGCTTCAATATTGTGATATTCAACCAACAATTATTAACAGCAAGGA
ATTCATTACCCGGTGACAGTTATAACCTTTGACATTGAAACGACAGTTTTAGTAGAAACCTCGATAGAATAG
TGGAAATTGCATTTCAAGATCTTTCAGGAGGAGAAAATAGCACCTTTCAACACTAATAGATCCGCACTGCTAT

ATTACAAATTCAAGCATACATGGCATTACAAACAATATGGTCGCTAGATGCGGTGTTCCAAGGATGCAGGAAC
TTATTCCAATTATATTACAATTTGTCAAAAGCCGTCAGAAACCCGGTGGTTATGTATTATTGGTAGCTCATAAT
GCTCGTACCTTCGATGTACCCTTTTTACTCCACGAATTCAGCCGTTACTCCATTGATATTCCTCAAGATTGGCTA
TTTCTCGATACTATGACGTTAGCCCGTCAACTGATGAAGTTATCCGATTCTGAAGATTACGAAAATATCATTAGA
AGCACTTTGTGAGTATTACGGTATAGAACTGGACGGTGAAGCACGTCGAGCATTGCCAGATGTGATATCATTG
TCTTTGATTCTTCAGAGGCTTACTTTGACCTCAAGCTAGATGTCTCGGATCTCGTTGAAAGAGCTTTCACCTCT
TTAGATCTGATTAATAAGAAGAAAAAATAGAGTGATGAAGCTATGTTTTGTTGTAATGTTCTTTACTAATTGT
TGCAACTTTCTATTCACTTATTGAATAACTTTGGGTCATTTATTTACGGTCATCAGATCCTTCTTGATGTCC
ATATTCTCCAAAACGGGTGAACGAATTGAAATG

>trans_s_453 BT026060|Arabidopsis thaliana At4g32750 mRNA, complete cds

ATTTCAACTAGGGTTCATCGGAGATCGTCGTAAGTCTGTCGATCCAAGATCGAAGATCAATTTTCTCCTCCAGA
AACCACGATTTGTCGGCATTATTCAAACTTTTCAGCTAAGTAGTTGCAATTCGATACTGTACAAGCTGGTTGT
GCTTCTCTTCGTCCTGTCCATGTGTTTGGTTTCTTGCCTCTTCTTGAAAAGCATCGATGGTTCGCGCGATC
CAGTATATATGCGGCATGTGAAGAATTAGGGTCTGAGAGAAGATTTCTATTCAAGTTAGATTTTTTCTTGATTG
GTTCCGAGTTCGGTTTTGCGCGGGGAGGATTTTTTTTTTTTTTTGGTTCAAATGGCGATTATTGGAGATGCGC
TTCGCCAGGCGTTTATGCCGAAGCACGAGTATGAGAATCTTCGCGAAGAAGAAAAAGCTTGGGGCAAACCTC
AGAAACCAATGGTAATGGCTCTTGTGCGCTTGATAGGGCTCGCAATTATTGTTTGCCTACCATCAGTTTGAAC
ATAGTCTTCCCTGACGACATCGGAAATAGACCGTTCTGCAGCGACAGGAGGCTTCAGCCTCTTCCCATGATGA
ACGGGAAAGGAGGCGAATCTGATCATTTTCTTGAGCTTTTACCTCACTAATCAAGAAATCGTGGACTATTAT
TGGATGCTGGTGTTCATCCCTCAGTAGTCGCATTTCTTGCATCCGCTGTCTATCTTGTTGCCGGCATAGTTGTT
GCTTATTCTGCTCCAAGTAGACATGGTTGCTTGAAGGTTGTTGAGAATAGCTACTGTGCATCCAGAAGAGGTG
GGGTTGCTGTCTTACCATCCTGAATGTTGTTTTGCCATCATCTTGGCCTCTTGGCATTATTTCTTGGTTCAAG
TCTTCTCACCTTGGGTGGCAGCTGCTCTGTGCCCTGTTTTGGTGCTATGAGATTTTCATCATGGGGTCTAGTTAT
TCTCTATGGAGGAACTGCTTTTTTCTTAAGGCGAAAATCAGCTACAATTCTCAGCGAGGGAGACCTCGGTGGT
AGAAACCTTGGTTTGAAATGTTGGTTGCAAATCCTATGGAAATCACTCCTGATATGGAAAGGCGTGTCAATG
AAGGATTCAAAGCTTGGATGGGATCTTCTCTTATCCTCTGATGAAGAAGATGAACCTGATAGCTATGAAGA
AGTAACATCCCATATGAACCATGCTAACTTAACAACGGCCACATTGTGTGATACATTTTCTTCGATTCAAGT
GATGACAGGTAAATTTTAGTTCATTGGAGACCCCGTAGTAGTCAGTCACAGAAGTATATAGATGGCTGTTTGT
GGAGAATTGGCTGATATTTGATGCAACCAACCCGAATAC

>trans_s_454 NM_001063546|Oryza sativa Japonica Group Os06g0186600 (Os06g0186600)
mRNA, complete cds

AAGAACAAGATAGAAATTCAATGGTCGGATATTGTCGCCTGAAGGCGACTTATCCCGAGGATGGTCTCGGC
ACTTTGGATGTAGTGCTGGCGAGACAGCCCTTTTCTTTAGGGAAATAAATCCACAGCCTAAGAAACACACTTT
ATGGCAAGCAACAGCCGACTTTACTGGTGGAGAAGCGAGCAGATATAGAAGGCATTTCTTGCAGTGTTTCGCA
AGGCTTGTTAAACAAGCATTTTGAGAAGCTTGACGCTGCGATCCTCGTCTCACTTTCTAAGCCAGCAACCAAG
ATATCGTGTCAGAAATGTCCATATTTTAAACCAATGGTTCAAACGAATCCAAGAAGGAATTGATTTGAAGGA
GGGACCTACTTTCTTAGTTAGGTATGGTGTCAACATCGGGAACCTCAATCACCTTCCTCAGTTAAAGAACATG
AATGTCTTGCTGGTGCTTCTGAAGAATATTCTGAGCAATCTCCATCACCTAATTCAGGGTTGGAAGCTCAAGCG
ACGGAAGAATTGAGAAACGATGGATGTGAAAGTTCAAGACTGATAAATAAATGGGATCAAGTCATGGTTCTT
GGGATTCGGCCATCAATGTCTGTTAGTGATTTTGTCAATCATATTGAACACTGCCTATCACAGCAGATGACACC
CAACGGTTCTATGTTTTCTGAAGAAAACCAACAAAGCAGAGAGGCCCTAGAGGGAATTACACAGTATCTTTTT
GGAGATTCTCAAATCCATCCGACTCCGACGAGCAGACCATCATGGCCAGGGTGAATTCCTATGCTGTCTTCT

GCAAAAGGATTCTTGTATGGCTAAGACCTTGCAAACCAAAGCTGGTAATAATAGCCTCGATGTCAATACCTAC
CCCCTACTGCATCAGAAAATGAAATTATGAGTCGAGAAGGCTTACCTGCACACGATGGCTTTCAATCGAGCA
AGCACATAGCAATGTCGAGGAATGATTCCGTTGGTGAGCTGCTGCTTAATCTTCCAAGAATAGCTTCTCTACCT
CAGTTTTTGTTCACCTTGTTTCGATGATTCTGATGATCGTTCTAGATAACCTTTGTTTTGGTTCATCTTGTTAATAG
AAAGTCTAGCAAAACACATAAACAGATCTCTACTGAAAAGAAAAAGAAATAGAAAAATCTACCCTGTGCGA
CCCATTACTGTGTAGATGAATAAAAAGTGCCCTCCTTACAAGTCAACTTATTGTAAATATATAGGCAGGGTGCT
TAATATATGTAGTTCAGTAGCTGTATCAACTAACAGCCAAGCATCTTTCGCTTTGTTTTGATCTTTGTATGAACA
AGATTTCGATGTTTAAAGGCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_455 AF165939|Citrus limon vacuolar V-H+ATPase subunit E mRNA, complete cds

TCTCACGTTGCTAACGTTTCAGCGGGACCCTCTTCTTCCAAATCTCACAATCTCTCTTTCACCTCGTTTTCTTTCTTTC
TTCTCTCATCCTTCCTCAATTCTTCTTCGTTTTTGGTCATCTCTCTCCAGATCGGCATCTTAGAGCTAACGATCAC
ACCAACTCCTCAGTTTCTAGGGCTTGGATCTTCACACTTCGCCAAAATGAATGACGCAGATGTTTCCAAGCAGA
TCCAGCAGATGGTCAGGTTTCATCCGCCAGGAAGCCGAGGAAAAGGCCAACGAGATCTCCGTCTCTGCTGAAG
AAGAATTCAATATTGAAAAGTTGCAGCTGGTTGAGGCAGAGAAGAAGAAGATCAGGCAAGAGTACGAGAAG
AAGGAGAAGCAAGTTGAAATCCGGAAGAAGATCGAGTACTCCATGCAGCTCAATGCTTCTCGGATCAAAGTT
CTGCAAGCTCAGGATGATGTTGTAAACAATATGAAAGAGGCAGCATCAAAGGAGCTTCTCAGTGTAAGCCAA
AATGAACATGTCTACAAAAATCTTTTGAAGGATCTCATTGTTTCAGAGCTTGCTTCGACTGAAAGAGCCAGCCGT
TTTATTGCGATGCCGCAAAAGTGACGTCCATTTGGTGAGTCTGTGCTGGGTTTCAGCAGCTGTTGAATATGCA
GAGAAAGCAAAAGTTCATGAGCCAGAGATCATTGTTGACCATGTCCATCTTCCACCCGGTCCAAGTCATCACC
ATCATCACGGTCCTTCTGCTCTGGAGGTGTGGTCTTGGCATCTCGAGATGGGAAGATTGTCTGTGAGAACAC
CCTTGATGCTAGATTGGATGTTGTGTTCCGTAAAAAATTCCAGAGATCCGAAAAAGCCTTTTCAGTCAAGTTG
CTGCATAATGGATTGGATTTCGTCTCCATCTTGGTGCCCTCTGTGAAATAATTTATGAGTCCAAATTTGGTCTTTG
ATGCGAATTTTATGTCCCAAATGTCACGTATCAATAAGTATTACATTCTTTTTTTTTCTTTATCTGATAGTTACAA
TGTTCTTGGTTCGAGCTCTACAGGGAGGTAGGCACCCCTATCGTCTCTATAGAACCTCCGGTATCAATAATATT
CCAGCTTGATAAATTGGTTTTCTTCTTCAAGTTGGGATGACCTTTTTAGTTAAGTATATTTTTGTGTGCACATCA
TGCAGACTATTGCCCTTATATAATGTAATTTGACATTTATCTTCTGATGGCAGTTGTTTCAAGTAAAGTTATTTT
ACTTGCATTAGTTTTGTACAAGTCTTTCAATAAAATACAATGTGTTGATTCTCCAAGATATGTTTAAGAAATGA
TTACTTTTCTTAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_456 XM_002884608|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata autophagocytosis-associated family
protein, mRNA

AATTTCTCCCCTCTCCCTTCTCCGCCAGCCACTTCAACCTCACTTCCCAAGTTGCCACTTCCATCCGTTCCAAAC
GTAGAAACGATTTCAATTCCTCCAAATTCAGTGTTCCAAACAGGAGTTCAACGCAAGCAATCCTTCCATCACT
CAACCATTATGTGAATTTCAAGATGGTTGGTACATGTGAAGCAATAGCTTCGGGTGGAACATCTCATCAAG
TGATTTTTACAAGGCTGCTTCTGCTTTTATTCATAGATGGAACTTATCAATTCTGATTTTCCTTCATGGTCATG
GGTTCATATCAGAAATTACGGTGGATTAGTTCTGATGATAAAGTTGACGGGTACTTATCTTTGGAGAAAATA
TGCTTCTGAGACCACAAGAGGTCTGCTTCATCCATTTTATTGCCCTTTTTTGTCTTCTTCTGCAATATTATTG
TTCTTCGTTGTTTCGTTTATTATGTTTTCAACAGAACGAGCAGGAGAAAGGAGGGTGTTAGAGGAAACAGAT
ATTGATGGGGCTGGCAACAACAACGAGTATCTTGATGAAGCTACATTAGTCCCACCCCAAGTGACCAAGAA
GTACATTACTATGATTTTCACATTCTGCACTGTGCATCATATAGTGTCCAGTGCTATACTTTCGAGCTTACTGT
TGTGATGGACAACAGCTGATGTTTGAAGAAATTGAAAAGGATCTCCCATCACAGTCTGTAGATACATTATTGA
ATTCAAATGGACATTTATTACTCAGGAGGAGCATCCATATTTAAACAGACCATGGTTCAAATTACATCCTTGT
GGAACCAGTGAATGGATGAAGCTACTCTTCTTAGTGATGCTTCTTGGTTCAATAATGAAATAGCTATTGAAA

GATATGTTGCCTCATGGCTCTCAGTTGTGGGGCAAGTAGTTGGCTTGATGATTCCTATGGAATTGTTGAAAGA
AGTCAGTGGCAGTCAGCTTTGATTCTGGAGTTCATCAGCATTTTCAGCAGCCTTGGAATTAGAACTCCATGCTCT
AGTAGAGAAGTCAAAACCTGCCTGAGATGAGAGATTGGCTTTAGCAAGGGGAGGATATCGCACTGAAAGCG
GGGCTGCCAAGATTGATGTGCACTCCTTTGAGGTCGGAGGCTTTATCCTTCATTTTTTACAATTGAACTAAAA
ATTATCCATTATCATATATACTATCATTCTTTCAAGTTTTACCATATATCTTGGGATGTATGTATGTACATTTATG
CAAATTTAGGTGATAAAGTGAATGTGTAAAGGTGGACAATGTTTCATTATGGGAGCTTGTAATGTCTCCCTAA
TTTCATGTAAAAGGATTTATGGATAAATTATTAGTTTGT

>trans_s_457 NM_001050435|Oryza sativa Japonica Group Os01g0685800 (Os01g0685800)
mRNA, complete cds

AAGAGGAGGAAAGATCGGGCCGTTCCGGTGCGGTGTCGGAAAGACCGTTCTGATTATGGAACCTATTAA
TAACGTAGCTAAAGCTCATGGTGGGTTTTCTGTGTTTGCTGGTGTGGGGAACGGACTCGTGAAGGCAATGA
CTTGACAGAGAAATGATTGAAAGTGGTGTCAATTAAGCTAGGGGACCAACAGGCCGAAAGCAAATGTGCCCT
TGTCTATGGTCAAATGAACGAGCCCCGGGTGCTCGTGCTCGTGTGGTCTTACTGGACTAACTGTGGCTGAG
CACTTCCGTGACGCTGAAGGGCAAGATGTGCTTCTCTTCATTGACAACATCTTTCGTTTTACCCAGGCTAACTC
AGAAGTGTCTGCTTTGCTTGGTCTGATCCCATCTGCTGTCGGTTACCAACCAACCTTGGCTACGGATCTTGGAG
GCCTTCAAGAGCGTATCACAACCACAAAGAAAGGTTCTATCACTTCAGTTCAAGCTATCTACGTGCCTGCTGAT
GACTTGACAGATCCTGCTCCTGCTACCACATTTGCTCACTTGGATGCCACAACCTGTGTTGTCAAGACAGATCTC
TGAGCTTGGTATCTATCCTGCTGTCGATCCATTGGACTCTACATCTCGAATGCTTCTCCTCATATTTTGGGAGA
GGATCACTATAACACTGCTCGTGGGGTACAGAAGGTCCTTCAAATTTACAAGAATTTGCAAGATATTATTGCC
ATTTTGGGTATGGATGAGCTTAGTGAAGATGACAAGTTGACAGTTGCTCGTGCTCGTAAGATCCAAAGGTTCT
TGAGTCAGCCCTTCCATGTTGCAGAAAGTGTCACTGGTGCTCCAGGAAAATACGTGAGTTGAAAGAGAGCAT
TGCCAGCTTCCAGGGGGTGTGGATGGAAAGTACGACGATCTTCTGAACAATCATTCTACATGGTTGGAGGT
ATTGAAGAAGTGATCGCCAAGGCAGAGAAGATCGCCAAGGAATCTGCTGCTTAGTTTTACTCTTAATTTTTTTC
CTTGATAATTATGAAAATTAATAATTTTAGGTGATATGCTGGGTGATGCCAGCAACAGGCTTTTGAAAATTATT
TTATTGAGATGTAACGGAACCAGAAATCTTCTGCTTTGTTTTAGTTTCTTTGCAGAACTGAAAGAGAGCTTT
TCACCGTCACCCACCCAGCCTTCGGCTTTTCTCCCTTAATTCATTTTCTTCTTCTTTCTTTAATAAGGGGA
GGAGAACACAGCAGGAGATGGACTTGACAATTTTCCCTTTTGAGAACCTTTTTTTACTCACATAATCAAATC
ATCTTGTTATTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_458 NM_111071|Arabidopsis thaliana KUP3 (K⁺ UPTAKE TRANSPORTER 3); potassium
ion transmembrane transporter (KUP3) mRNA, complete cds

AAGTACAACCTTTGATCTACACAATAAGGTTTCACTGAAGTGGTTGCTTGGACTAGGCTCTAGCCTTGGTATAGT
TCGTGTCCCTGGGATTGGTCTCATATACTCAGAATTGGCGACAGGAGTACCTGCGATATTTTCTCACTTCGTGA
CAAATCTCCCTGCATTTACAAGGTTTTAGTCTTTGTTTGTGTAAAGTCTGTTCTGTTCCATATGTCTCCTCCGA
AGAACGTTTCCTCATTGGGAGAGTTTGTCTAGACCATATCGGATGTATCGGTGCATAGTGAGGTATGGCTAC
AAGGATATTCAGAAGGATGATGGGGACTTTGAGAACCAACTGATACTAAACATTGCAGAATTTATTCAAATGG
AGGCAGAGGAACCACAATTCTCAAGCTCCGAAAGTTCTTCAGTTGATGGGAGGATGGCAGTAATAAGCACTC
GGAATATACAATCAAGCTTAATAGTGTCAGGGCATGAAGAAATTGGTACCAGCAACTCCATCTACAGCAGCAA
ATCCGCCACACTCCAAAGTTACGATCTGTTTACGAGGAGGAGAATCCACAACCTAAGAAGGCGCCAAGTGAG
GTTTCAGCTATCTCCAGCCCTTCAATGGACCCAAGAGTTAAGGAAGAGTTAATAGACTTGATCCAAGCCAAA
GAAGCTGGTGTAGCATATATAATGGGACACTCATATGTGAAGGCCAGACGATCTTCGTGCTATTTGAAAAAGC
TTGTGATAGATATCGGGTACTCGTTCCTCCGAAAGAACTGCAGAGGCCCGTCTGTTGCACTCAATATCCCTCAC
ATCAGTCTAATTGAAGTGGGCATGATATATTATGTTTAGTACGTGAAGAAGAACAATACATATATTCTGATTGT

TCCGAGTAGAGATGCCGTGGCATCTGTAGGTTGTTGGCAGCAGAGGGTAGTAGAGGAAGAACCAACAGCAT
GATATTGAGATGTGTGGTAGCATCATCCTGAGATTGGCTGTAGATAAGATTCAAGACTCAATATTACCTTTATG
TGATAAGTTGGTTAAGATTTGGATAATGCTTTTTCCAAAATGAAGAGTGGATATGATGTTTGTGGGAGCAGAC
GTCATTGTGAGTTGTTTTAGAAATAGGAAAAGGCTTAACTCAACACCTGAAATGGGTTCTTGGAACAGGAA
AGGTTTGTAGTTGGACGCTTTTTATTTATTTATTATTATCTTTACATCTTCTGTAAGCAATTAGTCGGACAAA
GTATAAAATAAACCAACCGTTCGTAGTTCANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_459 EU824050|Populus tremula isolate swl312-64E thioredoxin-related protein gene,
partial cds

TAGCCCAAAGCCTGGGTAAACCCATCCGCTCTGTCTTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCGTTTGTTCAGTTT
AAGAAAAGGGAAATTGGGTGATCCACTTTTCTCTTCGTCCTTAAAGGGATAAGTTCCGGTGTTATTCCGC
TTATATATTTTAGTAAAGAGCAGGATAAGAGAGGATGTCAGCTGGTCGGAACACCCATTGGTGTTATAGATGC
AGAAGTTCGGTACGTCTCTGTGGTAGAGATGCAGTTTCCCCAACTGCAATGGAGGATTTATCCAAGAATTG
ATGATATGGTGCCTGGAAATCCATTTGATTTCTTTGGTCTAGATCATGATGAAGATCGCGATCATGGTCTGGGT
GCATTCTCTGCTTTATGAGACAACGTTTAGCCGAAAGAAATGACATGAGGGGAAGATCAGAGTCGCTTTTGT
AGCATAGCCCGGGATTTGGTCCTTTATTAATATTTGGTGGTCAAATACCGTTGAGAAACAGCAGGTTAGAAGC
TCTCTTCAATGGGGCTCCTGGCATTGGTATTACACGAGGCGATAGTGGTGACTATTTATAGGCCCTGGACTG
GAGGAGCTATTGCAACGGCTTTCAGCAAATGGTCATCGAGGCCCTCCACCAGCATCTAGATCATCAATCGACG
CAATGCCACAGTTAAGATCACACATCGACATCTTCGCTCAGATTCGCATTGTCCAGTCTGTAAAGAGAAAATTT
GAACTGGGGTCTGAAGCAAGGCAGATGGCCTGTAATCACATGTACCACTCAGATTGTATTGTTCCATGGCTAA
TCCAGCACAATTCTTGCCCCGTCTGCCGCCAGAACTGCCGTACAGGGAATAGGAGGCGGGGGTGGGGGAC
ATAGCACCAACGATCAAAACCGAAGCAACAGCTATAGCAACGGGAGTGGCTCCCGGGTCAATCCAGGTAGAC
GGAATCCATTCTCTTATCTGTGGCCATTTGGTTCATCTAGTTCCAATCCAACCATGGTGGAGCAGGGAGCAGT
GAACCGTCGAACCACCAAATGGGGTATTCGGGATATCGATACTAATTACCATGAATTGAAGTTTGGAGAT
TGTTTGTGTGTAGTACAAAGGGTTGAAGATAAGCTTTGTTTGAAGAAGATACACAGGCTGTTGTATTTTTGTG
CAATTTTCTATGTAAATGACCTTATAATTAAGTGTAGTTGCTTATTGCTTCTGCTGATGTTTTCTTCATCTTC
CATGTCAAAAAGATGACACATCAATTATTAGTATAAATGGGAAAAATATTTTACTGCCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_460 NM_001070961|Oryza sativa Japonica Group Os10g0358600 (Os10g0358600)
mRNA, partial cds

ACATAAAGCACACATTTTCTCTCTCTCTACTCTATCTCTCTCTCTCTTACTCTGCTTTGTGTTTGTGTCAACGA
AAATTCCCAAATTTCTCTGCGATTTCCCTGTCTTTGCCGCTGAAATCCCAAAACATGCTCTCACCTGCATGA
TCTTTCTGTATCCTCTAATTTCCCCCTCTCTTTCTATTGCCTTTTGTCCAATTCATCGCCGACGGATTTGGGAA
TGCTTGAAGCTGTGGAGAGCTCCGTCAATGGCGCCTTCTCCACCTCCACAGTAGTGGTGACAGTAGTGAGGA
GGAGCTTTCTGTTCTCCCTCGTCATACCAAAGTCGTTGTCACCGGAAACAATCGTACCAAATCGGTGCTCGTTG
GACTTCAAGGCGTTGTTAAGAAGGCTGTTGGTTTGGGTGGATGGCATTGGCTGGTTCTCACGAATGGCATTG
AAGTTAAGCTACAGAGAAACGCCCTCAGTGTAATTGAAGCACCAACCGCAATGAGGATGATGATGATCTCG
AATTTGAGAACTTAACTGGAATGGATCCGATATGGCATCTGACGACACTCTAAAGTCCCATAGACCGAGACA
AAGGGCACACAAATTGTCGGGATCATCCCTCAAAACAATCAGCCGATCGTTCTCATATGAATCACAGTCGAAG
GGATCTATTTCCACCCCCGTGGGTCCATGAAAGTCGACCTCGGTAACTTGAGATGTCTGCCTTGTGGAGAT
ATTGGCGACACTTCAATCTTGTGGATGCTTTTCTAACCCATCAAAAGAGCAGTTGGTGGATGTTGTTCAAAGG
CATTCATGTCCAGCAACTAGACGAGTTACAGGTGATTGTTGGGTTGTCCACGCTGCAAAGAGACTCAAGA

>trans_s_461 NM_129392|Arabidopsis thaliana PRA1.B4 (PRENYLATED RAB ACCEPTOR 1.B4)
(PRA1.B4) mRNA, complete cds

>trans_s_462 GQ221687|Citrus sinensis UDP-glucosyltransferase family 1 protein (UGT2) gene,
complete cds

AACACCACCTTGTCGCTATTGAGCTGCCTCTCCCATGGATTCTCACACCCATGGAACACCTCATTTTCTTCTC
TTCCCTTTTCATGGCACAAGGCCATATGATCCCATGATTGACCTCGCCAAGCTTCTAGCTTGCCGTGGAGCCAT
TATCACTATCGTCACCACTCCTCTCAACTCTGCTCGCTTCCACTCTGTTCTCACTCGCGCCATTGATTCCGGCCAT
CAAATCCATGTCCATGAACCTCAATTCCCAAGCCACCAAGAAACCGGCCTCCCAGAAGGTTGCGAGAATGTCG
ACTTGCTACCTTCACTTGCTTCCTTATCCCAATTCTACCAAGCTATCAGTCTCCTTCACCAACCATCGGAAAAGTT
GTTCGAACTCAACCTCGTCCCAATTGCATCATCTCCGACATGTGTATCCCTTGGACTTTCGAAATTTCTCA
GAAATTCCACGTCCCCAGACTCGTTTTCTACAGTTTAAGCTGCTTCTTCTTCTCTACATGCGGAGTTTAACCAC
TAACCTTGAATTTCTGAAATCTATGCCTGATTCCGAATTTCTGACTTTACCAGGCTTGCCTTCTCACGTTAAGTTT
CGCAGGTCAAAGATCTTTACATCCACCGATGATTACTTGATCCAATTTAGTTTAAGAATGTGGGAGGCTGATC
GACAATCGTACGGCGTAATTGTAAATGTGTTTGAAGAAATGGAGCCAGAGCATGTAACGGAGTATATAAAAG
GAAGAGAATCCCCTGAAAAAGTATGGTGC GTTGGTCTCTTTCACTTTCCAACGACAACGAACTCGACAAAGC
CGAAAGAGGGCAACAAAGCCATAATCGACGGCCACGAATGCATCAAAATGGATGGACGAACAGAAACCATCGTCT

CGTGGTTTATGTGTCATTAGGAAGTCTATGTAATCGAAGAGCTACTGAAATGGATGGATGAATATGAATTCGA
GGAGAAAACAAAAGGGCGTGGGTTAGTGATACGTGGATGGGCACCCCAAGTTCTGATACTTTGCGACTCTGC
AATTGGGTGCTTCTTGACACATTGTGGATGGAATTCAAGCGTTGAAGGGATATCCGCAGGGGTGCCGATGAT
CACATGGCCGTTGTTTGCAGATCAATTGTACAATCATAAGTTCATCGTGGAGATATTGAAGGTGGGTGTGAGT
GTCGGAGAGGAAACAGAGGGAGACTTGGGAGGTGTGGGAAAGGTAGTGGTGAAGAGGGAGAAAGTGAAG
GAAGCCATTGAAATGGTGTGATGGATGGAGATGATAGTGAAGAAATGAGAAAGAGATGTAAAGAGTATAGTGA
GAAGGCGAAGAAGGCGGTGGAAGAAGGAGGTTTCGTCTCATCGG

>trans_s_463 XM_002871134|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATHMOV34, mRNA

AAAGAAAAAGGGCTTAATAAGCAGCTGCTCCATTTCTAAGTGGGTTTAGCCTTTAGCACGGAAGCGCCAATTC
GATTCAACTCTGATATACTGCAAAAATTCCGCCATGGATGTGATCAAGACGCGAGCAAATTTTCATCGAGGCCAG
TTGAGAAGGTTGTAGTTCACCCCTCTGGTTTTACTCAGCATCGTCGATAACTACAACCGAGTCGCTAAGGAATCC
CGCAAACGAGTTGTCTGGAGTTTTACTCGGTAGCTCTTTCAAGGGTACCGTTGATGTCAGCAATAGCTATGCAG
TCCCCTTTGAAGAAGACGAGAAAGATCCAAGCATATGGTTTCTTGACCACAACTATCATGAATCGATGTTTTCA
ATGTTTAAGAGGATAAATGCCAAGGAGCACATAGTAGGTTGGTATAGCACAGGTCCAAAGCTACGAGAGAAT
GACCTGGATATTCACCAGTTGTTCACAATTACGTACCAAATCCTGTGCTTGTGATTATTGATGTACAACCAAA
GGAGCTGGGAATACCTACTAAAGCTTACTATGATGTTGAAGAAGTCAAAGAGAATGCTACCCAAAAGAGCCA
GAAGATCTTTGTTTCATGTTCTTCAGTCATTGCTGCCCACGAGGTTGAGGAAATTGGTGTGGAACACTTACTAA
GGGATGTCAAGGATACCACCATTAGTACACTTGCCAATGAGGTTACTGGAAACTTACTGCTTTAAAAGGTTT
GGATGCACGACTACGTGAGATTTCGTGGCTACCTTGATCTTGTTATTGATGAGAAGCTTCCATTAAATCACGAA
ATTCTTTACCATTACAGGATGTATTCAACCTTCTCCAAATCTAAATGTGGCAGAGTTGATAAAATCATTTCGA
GTAAAAACCAATGATATGATGCTGGTTATTTATCTTCTCACTCATCCGGAGCGTCATCGCACTTCATAATTTA
ATCAATAACAAGATGCTAAACAAGAACATGAAAAAGCCGAGGATGCAAAACCAGCAATCGGCCCCATAACG
TCTGAAAATAACATGCAACTACCATCCATCAGCCCTTGAAAGATCTTAGTTGAAGGAACTAGTTATCTGTTT
GTCGAGTTCTTGATTGATGATGATATTTTTGTTTTATCCTATTGGAAGAGATGGCTAGTTTCCAGCATGTATTT
CCCTGACCATTTTTTGTTCATGTTATTAATTTGTACACCTCACTTTATTTCCCAAATATATCATGATGTAGAC
CAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_464 NM_117739|Arabidopsis thaliana ferredoxin hydrogenase (AT4G16440) mRNA,
complete cds

CAGTGAAGAGTCCTCAGCAAATGATTGGATCAATGGTCAAACATCATATTTGCCAAAAGTTGGGTATTAGGTC
AGATGATGTTTACCATGTTACTGTGATGCCCTGTTATGATAAGAACTGGAGGCAGCCAGGGAGGATTTTGT
TTTCAGTTGGACTCAGCCAACAAAAGTCCGGAGGATGAGGCCACAGAATTACAGAAGTAGATTAGTATTG
ACATCTGGTGAAGTTCTAGAATTGATACAGATGAAAGAGGTGGATTTTAAGAGCTTAGAAGAATCCCCTTTGG
ATAGAATGCTGACTAATGTTAATGAAGAAGGGCATCTTTTTGGAGTTAGTGGAAGTTCTGGTGGTTATGCAGA
AACAATCTTCAGGCATGCTGCAAAGATACTCTTTGGCAAAGATATTGAAGGCTCTTTGGAATTCAAACCTATTA
GAAATTCAGATTTCCAGGAGCTCACGCTTGAGGTGGAAGGGAAGACTTTGTTGAAGTTTGCACTATGTTATGG
ATTCCGAAATCTACAAAATGTTGTCAGAAAAATAAAAACAGGAAAATGTGACTACCATTTCTGGAGATTATG
GCTTGCCCTTCAGGTTGTCTAAATGGAGGGGGTCAAATTAACCCCAAGCCTGGACAATCTCAAAGGACTTGA
TTGAGTTATTAGAAGCTGCATATCAGGAAAACGTTTTAGTGAGGGATCCGTTTAATAATCCGGTGGCGAAAGA
AATATACAAGGAGTGGCTGGAGCAACGAGGTTGAGAGAAGGCAAAGAAGCATATGCACACCGAATACCACC
CAGTGGTAAAAAGCATTACTGCTCAACTCCCACTGGTAACAACATACCACTCTTAACCATAGAATTTTGTAG
CCCAAAGCTGAATACTAGATGAATTATAACCGAGTTTTGGAGAGATTTATGCCTCATGCTTTGCTGTGAATGT

GATAGTCACCGGTGGTTCCTGGAAGAGAAGGCCCAATTTTGATAGGATTTAACACTTGAAAATGTAAT
TCTTGTTTCATCCACCTCACCTAAATTGGCCTCTTCAGGTCTTCATCCTGTACATGATCTGTATTTATGTTGTAAGA
TAGAAGAAGAAAAAGGAAATAGTTTGATTTCTTGTTAAAAATTTTATGATGAGTGTTATTCTGGGTATTTATT
ATTGTTTTGTTTTCTTCTTTCTGAATAAACATACTCTCTGTTGATGAAGATTCAGCCGTTTAAATATATTGTTGG
GCGAATGCTCTATTTCTTTGTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_465 D14044|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for glycolate oxidase, complete cds

AACGCCCACCTTCAAAATCCAATCCAAATAATGTGGTCTCTCTCTCTTTTCCCCATTTTGATCCCACCCCTTTTG
TCTTTTCCTCAATCCGATCACGGTCTTCCTCTATCGCCCTTTGCTATATTTGTTGTTTGTGTTTGCATTCCAAAT
TTCGAGAGCTCAATCTCTCTCTCTCTTTTCGATCCTCTTTCCATCTTCTATTTGTTATCTTTAATCCCTTTTCATTA
TTCCCTTCATTCATTTTCATTTCCACAGATAAGGTTTTAAGTAGTTTGCTGAAAAGATGGAGATTACTAATGTC
ACCGAGTATGAGGCTATTGCAAAGGAGAAGTTGCCAAAGATGGTTTATGACTACTATGCATCTGGTGCAGAG
GACCAGTGGACCCTGAAGGAGAATCGAAATGCATTTTCAGGATTTTGTTCCGTCCCGCATTCTTATTGATGT
GAGTAAGATCGACATGTCAACAACCTGTGTTGGGATTCAAAATTTCAATGCCATTATGATTGCTCCCACTGCCA
TGCAAAAGATGGCTCACCTGAAGGGGAGTATGCAACAGCCAGAGCAGCGTCTGCAGCAGGCACAATTATGA
CTCTTTCCTCATGGGCTACTTCCAGTGTTGAAGAAGTTGCTTCCACTGGACCTGGCATTGATTCTTCCAGCTAT
ATGTGTACAAGGATAGGAATGTTGTGGCACAACCTGTGAGAAGAGCTGAAAAGGCTGGTTTCAAAGCCATTG
CTCTGACTGTGGACACTCCAAGGCTTGGTCGCAGGGAAGCTGATATCAAGAACAGATTTACTTTGCCACCATT
TTTGACATTGAAGAACTTTGAGGGATTGGATCTTGGTAAAATGGACAAGGCAGATGACTCTGGACTGGCCTCA
TATGTTGCGGGGAGATTGACCGTACTCTCAGTTGGCAGGATGTGTTGTGGCTGCAGACCATCACCAAGTTGC
CAATTCTTGTGAAGGGTGTGCTTACTGCTGAGGACACAAGGATTGCCATTCAAAGTGGAGCTGCTGGAATAAT
TGTTTCGAATCATGGAGCTCGCCAACCTGACTACGTTCTGCAACCATTGTGGCTTTGGAAGAGGTTGTTAAA
GCTGCTAGAGGCGAAGTTCTGTTTTCTGGACGGCGGTGTTGACGTGGAACAGATGTTTTCAAAGCATTGG
CACTTGGAGCATCTGGCATATTTATTGGAAGGCCAGTGGTGTCTCTTTGGCAGCAGAGGGTGAGGCCGGTG
TGAGGAAAGTGCTTCAGATGTTGCGTGACGAGTTCGAGCTGACCATGGCATTGAGTGGCTGCCGCTCACTTCA
GGAGATCACCCGCAGCCACATCCTGGCTGACTGGG

>trans_s_466 AJ867480|Zinnia elegans rh2.1 gene for RING-finger domain protein

ATCATGGGAAAATGTATCTGAACATCCTATGTTTCTCCAGCAAATGAGCTGAGGGGTTTGGTTCGCAGTCCA
TCGAGTAGAGCTTTAGCATCTTCGAACTTGGCCATTCTGGAATGTTGCTTCTACATCCAGGGTTGGTTCAAG
TTCAGGGGTACATCCCTCTTCTGGACCTTGGATTCTCCTGAGAGTTCTCCTACACAGTTCCCCAGGAGGTTAA
CAGAATATGTTTCGTAGGCAGTTATTTGCTTCTGCTACAAACGAGTCAGGAGGAAGGACAAGTAATTATTCACA
GCGTTCAGGTTCTACTTCTGCCCAGGAGATGGTCCTTTCATCTGGATCTGGCCGCCGAGGGCACCATTATTCG
AACCGAGGTCTGCATTATGGATGGAGAGAAGAGGTGACGGAGGACTTGGTCTTCCCTATTACGAACCTT
GGCTTCTTCTGCTGAAGGAAGTGACAATAATAGACTTGTGTCTGAGCACCTTCGTAATGTCTTGGGCCTTGTT
GCAGGGGTGAAAGCTTACGAGTTGAGGATGTGATGATCCTGGACCAATCACTATTTTTTGAATGGCTGATAT
TTATGATAGGCACAGGGACATGCGTCTAGACGTTGATAACATGTCGTATGAGGAATTGTTGGCATTGGAAGA
GCGTATTGGGAATGTCAATACAGGACTAAACGAAGAGACGATAGTTGCTCGACTGAAACAAAAGAAGCATGT
GAATGCTGTTGAGTCACAGGTGGAAGAAGAACCATGCTGTGTTTGTGAGGAGGAATACGTTGAAGGAGAAG
ACATTGGAACGCTGGAATGCGGGCATGACTTTCACACAGCTTGTTAAGCAGTGGCTGATGCAGAAGAATCT
GTGTCCCATATGCAAAACAACCTGGTTTAGCAAGCCGAGAATGAGGCTTGGTGTGGTGGTTGCTGTTGCTGCAT
AAAAACAAGGAGTTCAAAGCAAAGCAACTATGACGGATGGGATCAAGGGATGAAATGCTATGATGTTGCTT
GCCAATTATCTACCTCTGGAGAACCACATTCAATTTTCTATATACAAGTAGTAAATTTTTATATAATGCAAG

CAATCATTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAATTTGTTTTGGAAGGAAGAAAAAGAAGAAAAAGGAAGAAGAAG
AAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAAATCAAGGGTTGTAATTGGCAAGGAATTGCTAGCTTTAAGGTTATG
ATGATGATGGTCGATCAAATAATTAATGTTTACTCCCATTGACATTAGAGATTGTTGGTCTTAATATATCATCG
GATTTTTCCGTANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_467 HM440161|Camellia sinensis lipoxigenase mRNA, complete cds

CAGGTCTCAACCCGTATAGCATAAGGCTTGTTACGGAATGGCCATTGAAGAGTAAGCTTGACCCTGCTGTTTA
TGGTGATCCTACATCAAAAATCACTAATGAAATAGTGGAGGAACAAATCAAAGGTTTCATGACTCTGGATGAG
GCTTTGAAAAACAAGAACTATTTATACTAGATTACCATGACCTCTTCCTACCATATGTAGCCAAAGTACGAAA
ACTTAAAGGCACCACATTGTATGGTTCAAGGACATTGTTCTTACACAAAGATAGCACTCTAAGACCGTTGG
CTATTGAGCTCACTAGGCCACCCATTGATGGCAAACCACAATGGAAAGAAGTTTTACACCCTTTTGGGATGC
CACTCGTATCTGGCTTTGGAGGATTGCCAAAGCTCAGTTTTTCCCATGACTCTGGTTATCACCAACTTGTTAG
TCATTGGCTTAGAACTCATTGTTGCGTAGAACCTTACATCATTGCATCAAACAGACAAGTGAAGTGCATC
CAATCTATAGACTTTTGCATCCTCATTTCGATACACCATGGAGATCAATGCACTTGCTCGTCAATCTCTCATCA
ATGCAGACGGGATCATTGAGAGTTGTTTTCCCCTGGAAAATACTCAGTAGAATTTAGTTCTGTTGCTTACAAA
GCTCAATGGCAGTTCACTTAGAAGCTTGCCTGCTGACTTAATTAACAGGGGGTTGGCCGTTGAGGACCCAA
ATGCACCACATGGACTGAAGCTTGCTATTGAAGACTACCCTTTTGCCAACGATGGCCTGATCCTTTGGGATGCC
ATCAAAGAATGGGCAACGGAATATGTCAATTACTATTATCCAGATCCAAGTCTTGTTAAGGCAGATGAGGAAC
TTCAAGCATGGTGGAATGAGATTCGAACTGAAGGTCATGCAGATAAGAAGGATGAACCATGGTGGCCAGTTC
TCAACACTCCTGAAGACCTTATCAATATTGTCACCACCATCATGTGGGTACCTTCAGGGCATCATGCAGCAGTG
AACTTTGGCCAATACTCTTTGCTGGATATTTCCCAATCGACCTAGTATTGCTAGAACCAATGTTCCCTGGAA
GATGTAAATGAAGAGAAGTGGAAAACTTTATTAATAAGCCAGAGCATGTCCTTTTAGAGACATTTCTACAC
AGCTTCAAGCGACAAAAGTCACGGCGGTTTTGAATATATTGTCAAGTCATTCTCCAGACGAAGAGTATATGGG
AAAAGATATTGAAGCAGCATGGGCTGATGAGCCTTTATAAAGGGGGCATTGAGAAGTTCAGTGGAATTT
GAAGGAACTAGAAGGGATAATGTGAGGGAAGGCAGAC

>trans_s_468 BT006312|Arabidopsis thaliana At3g45600 mRNA, complete cds

ACAACCAAACAACCTGCTCCTTTCAATTTACATTCTCTCCTTCGTCTTCTTTCTTCTTCTTCTTCATAAATCC
ATCATCTTTCTCCATTTCCAGAATCAAGATCAGTAAACCCATTTTCAGTATGAGAACTAGCAGCCATTTGATTG
GGTACTCAACTTCCTAACTTTGCTCCTCTCAATCCCCATCCTCGCTGGTGGGATATGGCTCAGTAGCAAAGCC
AACAGTACCGAGTGTCTTAGATTCTTCAGTGGCCCTTGATCATAATCGGAGTTGCGATTATGGTTGTTTCACT
CGCTGGATTTGCCGGCGCGTGTTACCGGAACACTTTTCTCATGTGGCTTTACCTCTTTGTTATGTTTCACTGATA
AAGGCTCTGGCCGGACAGTCCCCAGTAGGGTGTATTTGGATTATTATCTTCAGGATTATCCGGTTGGTTGAA
GGATCGAGTTGCAGAGGAGAGCTATTGGGAGAAAATCAGTTCGTGTATTAGAGATTCTAAGGTTTGTAAGAA
GATGGGAAGAATTGTTGGGGGTGTTCTGAGTCTGTTGAAATGTTTAGTCTCAGGAAGCTCAGCCCTATTGAG
TCTGGTTGCTGTAAGCCTCCTTCAGATTGTGGCTTTGCTTATCAAAATGAGACTGTGTGGACTGGTGTAGAAG
GGACGGGGATGGTGCTTGTCATTCAGATTGCACGAAGTGAACAATGATCAATCGGAGCTCTGTTACAAC
GCGACTCTTGTAAGCAGGCGTGCTGGCCAGCCTCAAGAGAAGCTGGAGGAAAGTCTCGGTTATTAACATCG
TTGTCTTGATCATTCTAGTGATTGCTTATGTCAATTGGCCTTGAGCATTGAGGAACAACCGACGCATCGATAAC
GAAGAAGCATCCGGGGGAAGCGCGGATGGAGAAGGCACGACCAAGCTGGATTCTTAACTGAGTCATTGT
TGGGATATAGATATGATTATTGTTCAAATGAACGATTTTGAGGCTTTGGTTCTTTGCTGTAGTGATGTTGG
TAATTGGTAGTGATCGTTTTGCGTGTCTTTGTGTATATACTGTTTGTGGCATTGTAGTGATTGAAATTTGT
GATTGTTATTATATCATCTTTGATAAGCCTTGTAAGTCTCGAGCTTGCTTGGTCAATTTTTATAGGCAGGCAA
AAAAGAATTTGTATAGGGAAGTGTTATAACTTTTTAAGTTTCATTCAAATTTGAACTTAAAGTAGGAAATTA

GACAAAGGGTCGGTTTGGATTGTCGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAANAAA

>trans_s_469 EU408476|Arachis hypogaea Potyvirus VPg interacting protein (VPgB) mRNA,
complete cds

TCGATCGCTTCTCCACATCCACCCTCTTCTCTTCGCCTTCCCCTTCTCAACTCTCTCATCTTCCTTTCTTCTTTGTTT
TAATTTTGTCTTCTTCTTCTCTCTCTGCTGAAGCTCTGAGCCCCAGAGTGCTTCTTCTGGAAGGTGAAGAT
CTTAAAGAAAAATGAAAAATGGGATTGTGAACCTGTCAAGTGGCATGCAGGACTATATTAGCATTTTTCCAAG
AACTTGAGTTAGACTCTCCAAGAAGCATGGAAAAATGGGGAAGGTGGACGACTGATAGCCCCACAGGAGGCTT
GCACCCGCATTGCTGATGTGGTACAGGAGGCTATAAGAAAAATGGAAATAGTGGCTGAGGAGAAGAAGAGG
AGATACAAAAAAGCACGAATGGACATTGAGGCATTTGAGCGTGAGGTGAGGACAAGGCCAGGGAAGCAGC
AGAATTAAGCTAGAGAAACAGAGAAAGAAGCTACAAATTGAAGAGCTGGAGAAAATTGTGAGGCTTAAAC
TTGCAGAAGCTGACATGTTCCAACCTAAAGCAAACGAGGCAAAACGAGAGGCGGAAAGGCTCCAGATGATTG
CTTTAGCCAAATCCGAAAAATCTGAAGAAGATTATGCTAGTAGTTACCTGAAACAACGATTGAAGGAGGCCGA
GGCAGAGAAACAGTTTTTGTAGAGAAGATTAAGCTGCAAGAAAGTTTTCGTTACAGGGCAGTGGCGGAGC
AGATCAGTCCTAGATCCTTATTCCTCACACATTTCAAATGTCGTTTTGTGTATCGACCTGTATTGTACCATGTA
CCAATAAATGATGGTCACCCTTTGAGGAAATATACTTGAAGAATATACGACGTATTAGGAAGAAGCCATAA
AGCTGACTGGAATTTACTATATATGTGTTTTGGGGGACTGTAATGTTTTCTATTTTTTATCTGTAGATCATTGT
TTAGCTATCAACAAAGTCCTAACCTGTCAAGGCATTGAAACTTGTCTGGGTTTCATTTCAATTATGTAAGATG
ATGATACACTAATTTGTGTTGCTCCAACAATATTGTGGTTTGATGAACTGGTTTGTGGTTTCTGCAGCAGTGA
GCGCTGAGATTGTGTAGGGTAATGCTGGCAGAAAAGAGAAACAAAAAGTGATGTTAAAGAGATCAGACCCA
ACTATGAATGGACAGATCCTGTGCTTTAGTAGTAAGTAGGTCCATACAGCTGCTGTTACTCCCATCCTTTTTAG
GAGTGCTCTCTAATGGAACCCACCTCCAATATGCAGCAATCAATTCAGCCGTAGACCTGTATGATTTGGTGATG
GGTTTGAGTGCACTCTAAATTAGTTATTCGTATTGTTTGAT

>trans_s_470 U37247|Arabidopsis thaliana SecY homolog mRNA, nuclear gene encoding
chloroplast protein, complete cds

ATCACATAACGTTAGCCTTTCAGAACTGAAACCGAAACCGAGGTGGGAGTAAATAATGTTGATAACATTTCAG
AGAAGCTGCTGCAGCTTCTTCTTCTCGCCCCCTTGCTTCACTCTCTCCACTCAATCTCTTACCAATTCTAAGCGC
TTTCCAAGACCTAGAATTTCACTCGCCCGTGCTTCTTCTGTTCCGGGCAAGCCAGTTCATCAAATCCTGG
AACCTTGGCCTCATTTCCAACAGTTCTGAGAGCTCAGTTTTTGATCCCTTGGGCATCCGTCCTGATCTTCTTCC
GAATTAAGTAGTACATGGGAAAGTTTTCTTGTTATTTTGGCCAAACATTTAACAGTGCTTCAAGCACAAAAAA
AGATAAATCTCCATCAGCTCGTGGATTAGCAGCTGCAATCGAGGACAGTTCATTGACATAGGAGATTTCTTC
AAAGGTCCGTTGCCTGGAAATTTCTACAGCTCTTGGGCTATTTAGCCCTTCAAGGCTTGAATCTATATCCC
TCTTGGTGGAGTGAACCGAGAGGCTTTTGTGGGAACTTGGATCAGAACAGCTTATTGAGCACTTTAGATTCA
TTTTCTGGAGGAGGCATTGGTAGGCTGGGGATATGCTCCCTAGGCATTGTTCCCTTTATCAATGCACAAATTGT
CTTCCAGCTTCTTGCTCAAATTTATCCAAAATTGCAAGACCTTCAGAAAAGAGAAGGCGGAGCTGGGCGAAAG
AAAATTCTGCAATATACTCGATATGCCTCAGTTGGATTGCAATCGTACAAGCAATTGGCCAAGTTCTATACCT
TCGCCCTATGTTAATGATTTTAGTACAGAATGGGTGCTCTTCTGTTACTTTATTGACACTTGGCTCAGTCAT
AACAACGTACATAGGGGAACGGATCACAGACCTAAAGCTAGGAAATGGGACATCTCTTTAATATTCACCAGC
ATCATCTCCTATTTACCGGCATCCTTTGGAAGGACCACTGCACAGGCATTCCAGGATGGTAATTATGTTGGATT
GGTTGCTATCATGATCTCGTTCTTTCTATTGGTACTTGAATTGTATATGTTCAGGAAGCAGAAAGAAAAATCC
CCCTCAATTATGCTTCAAGATACACAAGCAGAGGTGGAGGACTTCAGAAATCTGCTTACCTGCCCTTCAAGGT
AAATAGTCCGGTGAATGCCAATAATCTTCTCGACATCAACGTTGGCCCTTCAGGTACTCTAGCTCGCTTCA

CAGGGCTATCGGTCCTAAAGAAGGCTGCACTTGCTTTAAATCCAGGGGGTTCGTTCTATCTGCCAACCAACAT
CCTTTTGATAGCCTTCTTCAACTATTACTA

>trans_s_471 XM_002889919|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

AGTCATTATGTATCATTGGCTCAATTGGATGAGAACGATGGCAGTGTAGCAAAGCACCTTGAATCTGCAAATA
CAATGTTCTCCTTCATCTGGTGGATTATTGGATTCTATTGGGTATCTGCAGGAGGACAATCTTTAGCACAGGCC
TCTCCCCTACTTTACTGGTTATGTATCATATTCTTGGGTTTTGATGTGTTCTTTGTGGTTTTCTGTGTTGCTTTGG
CATGTATCATTGGAATTGCTGTTTGCTGCTGTCTTCCCTGTATCATTGCACTTTTATATGCTGTAGCGGACCAGG
AAAGAGCAACCAAAGAAGATGTCGAACAGCTGTCAAAATTTAAATTCAGAAAGGTTGAAAATGCCGAGAAAT
TCTCCTCCGATGTACAGGAACCTCTTGGTGGGATAATGTCTGAGTGTGTACAGATTCACCCATTGAACGCCCC
CTCTTGCAAGAGGATGCGGAGTGTTGCATCTGCCTTTCTGCATACGAGGATGGCGTTGAGCTACGAGAGCTCC
CATGTGGTCATCACTTCCACTGTGCGTGCCTCGATAAATGGCTGTATTAATGCCACCTGTCCTCTCTGCAAG
TTCAACATCTTGAAAAATAGCAATCTTGCTCAAGAAGAAGTTTGAAAAATACGTTCCGATTTACGTCACTATGA
ATGCTTATACAGATGGGTTGTGTGTAGTTATGAAAGAGATGAATCAGAAAACCTATTATAGGGTCTTTCTTTTG
CAGCAGATGCTATTTTTATTCTTTGCTGTAGTTCTTGCTCTGCTCGGGTTGTTCTGTAAATGGCGATTGAAGA
TTCTCTGTAATGACTAATTCTCAAGGCTTCCCTCCTCTAGTCCTCAACTTATGTAATCGTATTACCCAATAAA
TTTAAGTTGCAAATCTTTAGTTTCTGTTCCAACCTTGTTGCTGCCTTTGGGAGTTTATGTGCACATCTTCCATTG
TAGTCATGGATTTGTATGGCACCCACAACTACAATTTAGATAGGAAGAAAAAGGATATTACAAATTCATTCC
ACCAGTTTTAATATTTGTAAGATACACATTTAGGGACGGTTTGAAGAGTTGAAATGTATTTAAGATTACCGAAA
ATACAACGAAAATGAGATCGAGAAGACTGCACGAGAAGAGTGAAGCAATAAATCGAAAAAATCATAATATAA
ATAGAGTTCCAAATGTTTAATACAGATCTCAACTACATTTTTATATATTTCCATTAAGTCCATCAAACACATTCTT
AGATTTACTTTAGATTTACTTTTTCTTTTCTCGATAAATATATATTTTTTCGATGGATGATGCTGTCAATTATTA
GTCTTTACCTACATTTTATAA

>trans_s_472 AY625680|Triticum aestivum MYB transcription factor (MYB80) mRNA, complete
cds

AAGAAGAAGAGAGAGAATGAGAGAGAGACCCTCGTCTTGTTCTGACGAACCATCTTGCCAAAATCAGAAATTT
GCATTCCCTCTTCCCCCTCCTTTCTCAAAACCCTAGAACAGACAAATCCAATTCCATTTTGCTCCCCGCTGGCC
GCCTTCTGCCGCGTATCCCCACCACCACCACCACCACCGTCGCCGGCGCTCCTCACTTTTGTATCAACTA
CCTCTGAAATTCACCACCATCTGCGTTTCTTCCCCCTAAATTTTGGAGACTTTTTTTGTTTCTGTTGACTTCCG
AGATGATGGGTCTGAAGCTAATTCATCGGCCATCATTGGGTTTCTGAGTCTCGTCCAGAAAACGACTTCGAGT
TGTATCTCTCCTCATCATGTATCATGCTAAGAAGTTTCAACTGCGAGCTTAGTTCCACACAAATCTCAAGGTGC
TGAACAGAGTGCGAGTGTTGCGGTTCTTGGTGGCTCTACAGCCAAAAGTCCAATGCCACCCGGAGGAGGTGG
AAAACAACGCTTGCGATGGACATCAGATCTTCACGATCGTTTTGTGGATGCTATCACACAACTTGGTGGACCA
GATAGGGCAACTCCAAAAGGTGTTTTAAGAGTGATGGGGGTACCTGGTCTTACCATATATCATGGCAAAAGC
CATTTACAGAAGTATCGACTTGCAAAGTATTTGCCAGAATCTCCAGCAGATGGTTCTAAGGATGAGAAGAGAA
GCTCAGAGAGTCTCTGGAACAGATTCTCTTCGGGCCTGCAAATTAATGAGGCATTGAGGATGCAAATGGA
GGTTCAGAAACGTCTGCAAGAACAGCTTGAGGTTCAAGGCAATTACAAATGAGAATAGAAGCCCAGGCGAA
ATATTTGCAGAAGATCATTGAGGAGCAGCAGAACTAGGTGGTGAATCGAAAGACTCCGAGGTGGTGCCCTC
AGCTGAAGATAATAAGCAAAAACTTGCCAGTCTGAGTCGTATGGTGATGTGTCTGCAGGACCTTCATCTCCC
CGAAAGAAACAACGCATTGATCGAGGATCAACAGACGATTCTGCCCCATCTCCGTCTATTAATTTACCTTAAC
TATCTGAATAAATCGGCAGTAAATGGGACTGAATTGTATGAAAAGTAACATTGGGTGCGGTTTGATCAGAG
CTCAAAATCAAATCAATGGGGAGAAGAAGGCAGATCAGCTACATCAAGTGTACCTACAAAGTTAAGATCCATC

CAATCTGTGGTTTATGGTCGTCTTCAAGAAGTAGATGATGTTTGTAACCTTTGTATATAAGTCTGCACATTGAA
CCTATTTGTAACTTTATTGAAATACTTCTACGTAAGA

>trans_s_473 AB205043|Chrysanthemum x morifolium CRTISO mRNA for carotenoid isomerase,
complete cds

CTCGCTGGTGGATTCTTCGTACAGAAAGTTCCAGTGTTTCGTAGCTTGGATCCGCTATTTGTCTTTGACTATCAC
ACATACAAGCTCCTTCTAAAGGTGCAGTACAACAACATCATACCCGCTGTAAACGGTATGAAAATGGACAACG
GGGTAGTTGAAGTTACTGCACCAATAGCCATGGTTTTCGGGTATCGTCTCTTGGCTTACATTTCACTGAGGAG
GATGAGGCTTCACTCAGGGAGTTGATACAAAAGATTTCTCAGAGGGTAATTTGCTAGAAGAACAATCAGAG
CATTGGCTTACTTGAGCTTGAATTTGAGATGCAAGGTCTAACCATATAGTAAGAATCTCCATTTTGAAAACTTT
CTTGGTATTGTGTAATCTCCAAGAGAAAAAGGAACTTACCTGCTGCCGATGGTTGATCACATCAAAGGCCAAAA
CAAACATATTTTCATCAATATGGCTTGCTCATGGAGGTGTTTTCCACTTCGGCATCTAGCTAGAATAGTTGAAC
ACCTAAATATAGTAGCCTGAAACAGTAGAGTTTAGTTCCAATCCGTGAACATAGAATGTTGGGAGAACTTTTC
TTTTTTCTTCTTCTATAAGAGAAACATTCAGTTCAAATGTTCTTTTTGGTACACCTGTTTGTTCAACGCCAAA
TTGATTATTGTAAATGTATGAATATGAGCCTGCCTACTAGTGCTCTATCTCTAAAAAACTATTGCCGCAGCTG
TTACACGGCTGACCCTTGAAAACCTATTATGGCAGCAAGAAGATGGTGCATTCTCACATCAAATTCAGGCCAA
GGTCCTCAACCAACCAAGTAACCGAAGAAGGGCCGCATCCAAATGGGGGACTTCTTTTCAAGCCCAATATCT
GCAGCTACTCGGTGTGCACACATCACTCCGGAAGGCTACAGCAATTACTCCTTGCCAGGAAAGCAACTAT
CACCAACACAATACAGCCCATCTATACCAGTTGTATTAATGGCATTCCAAGCAATCCCTTAGGAGTGCCTCGT
GGCATTGGTCCATAGGTACCATTATCACGGGCTAGGAATCGCCTGTGTGTCTTTGGCGTCCCAAACCTCCATAA
AATCAATAGATGATTTTAACCTGGAAATAGCTTCTCTCGAGTCTAGTGATAATTCCATCTGCTATCAGCGCCT
TCTTTGCTTCGTACTCTTCCCTAGAGAGCCCCTCCCAATCCTCCATGGAAGAAGTAGTAAAAACGTGAAGAATA
TGACGTCCATCTGGAGCTAATGATGGATCAAGAACAGTCGGGATGCTCAGAAAGATGCTTCCATATGGCTCCT
CTAACCTTCTCCAATCACTCTCAAGCACAAAATG

>trans_s_474 NM_122899|Arabidopsis thaliana protein binding (AT5G35080) mRNA, complete cds

AGGCCGTAACCAAGACCCAATTTCTTCTCCTCTCGACCTCGACGTCGCCGTCGCCGTCGCCGCTCTTCCT
CCCCTAGCTGAAATTCCTGACCCAAAACTTTGCTTCCCTCGTTTTACCATTGTACATGCGTTTTAGGACGCAG
AGATGACGCAATTGCTGTGGTTGATCCTTTTAGCTGGTTATCTTTGCCACTTTGCGTTAGCTGATCAGATCTTCC
CAGCTCAATTAGGTGGAACATTTAGTCGCAACACTCGTGGGCCAAAATACAATATTGAATTCCATCAACAAGA
CTCTCCTTACAATCCTGATGAAGACCAGGAATCTGTGTTTATGCCCAATAAAAATGGAAAGAATTACTTGTGTT
ACTTGCCTAAGGTGGAGAAGTCCAAGAGCGGAAAACCATCTATTCAACTGAACATGAGTAGCATGATTGTGG
AATCTGAGAAGCGAGTCAAATTGAAGACTCCAGACGAGCTGCTTGAGGCATTAAAAGAGCAATGCTTTGTCA
GGCAAGAGGGTTGGTGGACATATGAATTTTGTACCAGAAAACACTAAGACAATTTCAATTTGGAGGATGAAA
AGGTAGTTCAGGAGTTTATATTGGGCGTCTATGATGCAGAGGCAACTGCTAACTCAATGAGAATCTCTCTGA
TATATCTACTTTGAAGGATCCTCGCTCAAAAGATGCATCCCAAAGGTATCATGCCCATCACTACACAAATGGAA
CCATGTGCGACCTCACAAACCAACCACGAGAACTGAGGTTAGATTTGTTTGCTCAGAACCGCCAGAGCCAT
GATCAATTCTATCACAGAACTATCAACGTGTAAGTATGCACTTACGGTGCGATGCCCCGACACTTTGCAAGCATA
TGTTATTTGAAGAAGAAAAACAGTGTGGTACATCATTAAGTCAATGAGCTTCCGGATGATTACAAGGAAAC
AGAGCGGAGTGAAGAATCAACAGATGAGATTGTCATGGTTACTGACATCAAATATCCAAAAATGAATCTGA
AGATTAATGTGAATATTTTATATATCATAGAAGTTTTATCAACCAAACTAACCTACAAACAAAGCTTTTCC
TCTGTAGATTTTTTTTTCTTTTTCATATTCAAATTATATAATTGCTGTGAAGATCAATCCATCGATTTTCAAGCC
CCACGAGTCCACGACGAAAAATTCCCGCGTGAATTGTTGTATCAGTTGGTCATATTTGAGGTCAACCTGAAAG

CTACTGATATGGCAGTTTTATGGGATTTATTGATTTTGTCAAACGATTCTGACTTCTGTAGGGAAAAAGTTTGAA
TTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_475 AY230843|Arabidopsis thaliana 26S proteasome subunit RPN11A (RPN11a) mRNA,
RPN11a-1 allele, complete cds

AAAGAACTTCAAGTCTTGCATTCCCGGCAGCTGGAAAGATCGACGCGGAGGGAAAGCTTTACGAATGGAGC
GGTTACAAAGAATGTTGCTGGAGCCGGAGGTTTCATTGGGGCACCCGCCGCCGACTCCCCACTCTTGATT
GTCGGAGCAGGTCTACATCTCCTCGCTCGCGCTTCTGAAGATGCTTAAGCACGGAAGAGCTGGGGTTCCCATG
GAGGTGATGGGTCTGATGTTGGGGGAATTTGTTGACGAGTACACCGTGCGCGTGGTGCATGATTTGCTATG
CCGCAAAGTGGTACGGGTGTCAGCGTCGAAGCTGTTGATCATGTATTCCAGACCAATATGCTTGACATGCTTA
AACAACTGGACGCCAGAGATGGTTGTAGGATGGTACCACTCTCATCCTGGATTTGGATGTTGGCTCTCTGG
TGTCGACATCAATACTCAACAGAGTTTTGAAGCTCTTAATCAGCGAGCTGTTGCTGTAGTTGTGGATCCGATCC
AGAGTGTCAAGGGAAAGGTGGTTATTGATGCCTTTCGTCTAATTAATCCCAGACAATGATGCTTGCCCAAGA
ACCACGTCAAACAACATCAAACCTCGGCCATCTTAATAAACCATCTATTCAAGCATTAAATCCATGGATTGAATC
GCCATTATTACTCTATTGCGATTAATATAGGAAAAATGAACCTGAAGAGAAGATGTTGCTTAATCTTCACAAG
AAGAAATGGACTGATGGCCTAACACTTCGACGATTTGATACACACTCAAAAATAATGAGCAGACTGTCCAGG
AAATGCTGAACTTGGCTATCAAGTACAACAAGGCAGTACAAGAAGAAGATGAAATGCCACCAGAAAAAACTG
CAATTGCAAACGTGGGAAGGCAAGATGCTAAGAAGCACCTGGAAGAACATGTCTCCAATTTGATGTCATCAA
ACATCATACAGACATTAGGAACAATGCTTGATACAGTTGTGTTCTAATTGAACATATGATCGTTAATGAACCTTT
CGTCCCCTGCCAGAAACATTCGGATGATTCTTTGTTCAAAGTTGCAGGGTGTCTGACTGTTAAAAACAAGTTCA
ATAGTGCTTAAAACTCTCCATTGCTAAGAACTCTGCCCATCTTTCACCTTCATTGCATTAATATTTTATTGGA
TCTTAGAATGAGAGGTGGTTTTGTTTTACAGGACAAGTATTGGTTTCAATGCTTGGGATGTGAATGAAAAAG
ATATAGGGTTCATAATCTGGACCATTTTGTAATGTACGAAATTTCTTAGAATAAACAAACGTAATAATCAAT
GTATTTTTCAATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_476 U25027|Glycine max phosphatidylinositol-specific phospholipase C mRNA, complete
cds

GGATTTAAACAAAACAAAAAACCTATATGTTCATTTTGGTAAGGTTGAAATAAAGAAAGGTGGAACATGT
ACGAGAGGAATTCTCCAGAGGTTATTCAAGGTTAGAATTATTTTCGTTCAAAGGCTCTTAAGTCAAAGTTCTA
ATGGGAGCTCATGGTGCAACGGTGACCTACAGAGTGTGTTTCTGCTTCCGCCGCGTTTCAAGATGACCGCCG
GCGAAGCCCCGACGAGATCAAGAAGCTTTTTGACGAGTATTCCGAGAATGGTATCATGAACCCAGATCATCT
CCAGAGATTCTTGATCGATGTTTCAGAAAGAGGTTAATACCACCAGAGACGATGCTCAGAACATGATTGAACGT
TGTACTAACGAACTCAAGCATTGAATATCTTCATCGCAAGGTTCTTAATCTTGAAGCCTTCTTTAAGTATCTC
TTCAGCGATCTCAACCCTCTCTTGAGTCTCTGGGGTGCACCATGATATGAGTGCTCCCTGTGCGATTATTAC
ATATATACAGGACATAATTCGTATTTGACTGGGAATCAGCTCAGTAGTGACTGTAGTGATGTGCCTATCATACA
AGCTCTACAGAGAGGAGTTAGAGTAATTGAATTGGACATATGGCCAAATCTTCAAAGGATAATATAGATGTT
CTTCACGGCAGGACACTTACTACCCCTGTGGAGCTTATTAATGTTTGAAGTCTATTAAGAGTATGCTTTTGT
TGCATCTGACTATCCGGTTGTAATAACATTGGAAGATCATCTTCCTCCTAATCTCCAAGCTAAAGTGGCAGAGA
TGGTTACGAGTACATTCGGAGACATTTTGTCTCTCCTGGCCCTGAATGCTTGAAAGAATTTCTTCTCCTGAAT
CACTAAAGAAAAGGATTATTATATCAACCAAACCCCTAAGGAGTACCTTAAGACCAAAGATGTTCTTAAGGA
TGGTGAGAGTGAGTCACAGAAGGAAAAGAATTCTGGGAATAATAAGAAACATCAGCATGGGGAAGGGAA
GTGTCAAGCTTGAAAGGTGGTACTGTGACTGACTACAAGCAAGATTTGGATGATGACAGTAACGATGAAGAA
GATACTGAGGATGGAGATCCCAAGTCTACAGAATCTCCCACTATATTGCTCCTGAATATAAAAGTTTGATTGC
TATTCATGCGGGAAAGCCTAAAGGTGGAATTGATGCATGCCTCAGAGTGGATCCCGACAAAGCTAGACGCCT

GAGCTTGAGTGAGCAACATTAGAAAAGGCAGTGCTTACTCATGGAAAACAAATTGTAAGGTTTACTCAGAAG
AACATTTTGAGAGTCTATCCAAAGGGGATCAGATTTGA

>trans_s_477 NM_001068917|Oryza sativa Japonica Group Os08g0540300 (Os08g0540300)
mRNA, complete cds

AGAAACCAAAACCAAAACCCCACTTTGATTCTCTCATCCCTCATCTTTCTCCTCTCTTTCTCTCTCTTTACCGA
CCCCCTCAAGAATTTCCATTCCCTCTCTTCTCCCAATTTATCGCCATGGATTCTGAGGACGATCTTCATTACTCCA
CCGACGTTGAATCCGTCGATGATGATTGCGATTTCTACAGCGGTGAGATGGACATGGGTATGGGTTATTACTC
CGATGACGATGACCCTGATGCTGAGGATTTGCTCGATGATGATACCGATGATTACTTCGAGGCCAGCCGACGC
GAGCAAAATTACACAATACTAAATGAGTCGGACATAAGACAACGGCAAGAGGACGACATTACAAGAATTTCT
TCTGTACTTTCTATATCACGTGTAGCTCCAATTGTCTTGCTCCGCCACTTCAATTGGAATGTTACTAAAGTCCAC
GATGAATGGTTTGTTGATGAAGCTCGAGTAAGGAAGCAAGTTGGCTTGTTGGAAGCACCTGTTGTACATGTCC
TAAATGCTAGAGAACGAACCTGTGGGATTTGTTTGAATCCTATCCAAATAATAGGATCAAGTCAGCTGCCTG
TGGTCACCTTTCTGCGTCTTCTGCTGGGAAGGCTACGTTAGCACATCAATTAATGATGGTCCTGGATGTCTGA
CGTTGAGATGTCCTGATCCTTCTTGTGGTGCTGTGGTCGATCAAGACATGATTAATTCATTGGCCTCCAGTCAA
GACAGGAAAAAATATGCTCGTTACCTTCTTAAGTCTTATGTTGAAGACAACAAAAAGACCAAATGGTGCCAG
CGGCCTGGTTGTGAGCATGCTGTTCTTTGACGCTGGCAATGGAATTAATGATGTTTCTTGCTTCTGCACATA
TAGCTTCTGCTGGAAATGCACAGAAGAAGCTCACCGTCTGTAGATTGTGCTACTGTGGAAAAATGGATTTTA
AAGAACAGTGCTGAGTCTGAGAATATGAACTGGATATTAGCTAATTCAAAGCCTTGCCAAAGTGCAAGCGG
CCAATTGAGAAAAACCAAGTTGCATGCACATGACTTGCACACCTCCGTGCAAATTTGAATTTTGCTGGCTATG
TCATGGTGCATGGTCTGATCATGGTGAAAGAACCGGTGGCTTCTATGCTTGCAACCGATATGAGGTAGCTAAG
CAAGACGGTGTGTATGATGAGGCTGAGAAAAGAAGAGAGATGGCGAAGAATTCTTTGGAGAGATACTCA
CTATTATGAACGTTGGGCAAGCAATCAACATCTAGGCAAAAAGCAATACCAGATTTGCATCAAATGCAGAAT
GTGCATATTGAGAACTCAGTGATATACACTGCA

>trans_s_478 EF611045|Hevea brasiliensis ethphon-induced protein (Etle) mRNA, complete cds

CTCACACTCGGCGCCCTCGCTCCTTTTTTACCCTAATCGATCGACCTTTGAATTGAATTTCAATTTCTCTATGAGG
ACCGGAATGCGGTACCACACCGGTAGTGAGGATCACCGGCGGGAGTCTCATTTTCTCGAAGCTTGTTTTCTCT
GCCGGAGGCCGCTCGGATTCAACCGAGACATTTTCATGTACAAAGGAAACACGCCGTTCTGTAGCAAAGAAT
GCCGGCAGGAACAGATTGAGTTCGATGAAGCGCAAGAGAAGAGCTGGAGAATCTCGTCGTCTCTGCTCTCGT
CTTCGGCAGATAAAACGAAGACGTCTAGTAAGAAGAATGTACGAACGGATACAGTTGCAGTGGCCTAAAGTT
GGACGAAGGAATTTTGAGGAAAAAGGAAAAAAATTAGGGTGAAAAACAGAACCTAGAAATTTTCGGGGGAG
AGTAAGAAAAGAGAAAATCAAATGAGAGAGGAAAAGAGACTGAGACTGAGTGGAATGAAGAATTGAGAAA
ATATTTGAAATCTTTCATGTGAAGAAGAAGATTGGATTGGCAGACACACTATACAGAACTGTTCTGGTT
CTGTTCTGCTTCAATCATCCTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGTTTATGGAGATATTCATAT
TACTGTGATTAGTAAAATCTGTGGAATAAATTGATGATCTGCCATGGAAATCTGTTGAAAATTTTACGAAT
TATAGCTTTGGGGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTCAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCCCCCCCT
TTCCCCCTAAGGGGGGCTTATTACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCCCCGGGGGGGGAAAAACCC
GGGGTTCCCCATTTTATCCCTTGAAAAACCCCCCTTCCCCCGGGGGGAAAAAAGCCCCC
CCCATCCCCCTCCCAAATTTTCCCCCCCCAAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTTTTGCCGCCATTAACCCCG
GGGGGGGGGGGGTTTCCCCAAGGGGGGCCCTACTTTTTGCGGGCCCCCAACCCCCCTTTTTTTTTTTTTT

CCCTTTTTTTTTCCCCCTTTTTGCGGGTTTTCCCCTAAAGTTTTAAATGGGGGGGCCCTTTGGGTTCCAATTT
ATGGTTTTTCCGCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTATTAGGG

>trans_s_479 EU809511|Garcinia mangostana AG-motif binding protein mRNA, complete cds

ACTCTGTGTTTCTTTTAGTCTCTTCTTTGTTTCCCTCCTCCTTCATCTTCATCTCAAATTCATTTCACTCTCT
CTCTCTCTCTCTAATGGAACCTTCTCTTACCAATTCTTAACTCTATCTCTCTCTCAAATCTCTATTCCCATTCTC
CTCACTTCCATTTCTATTTTAATTTAGGAGAAATTTTATTTGTTTAAAGAGGATGATTGCAGCAAATACCGTG
GAGGAAATTGACTGTGCGAATTTCTTCGACAATATTGAGGACCTTCTTGAAGACCTTGATGATCACGACGTCG
ATTTTAATACCAACTCCGCTGCCTTCCCTCCCATTTGGTCTCAACATTCGATTCTTTGCCTTCCGACGCCGTCGT
CGACCCCGTCCTGTTTCCCGTTAATACTGCTGACTCTGCACTCTCCCCGACCTCTGTGTTCCGTACGATGACCA
AATGGAATGGCTCTCAAATTCGTTGACGATTCTTCTCCGGCGCCGAAACTCTAACCATCAACACTTCCAATT
CATCACCGCCGAGCCAATTTACATCTCAAGTCCAGTCTCCGTTCTCGACAGTAGCAGCAGCAGCAGCTCCAGC
TTTGACGAAAAAAAACCTTTAACCACCAAGAACGGTAGACGAGGCCGCGCTCGCAGCAAGCGTCTCTCGACCA
ACCACTTTTATTCCCCGGCCACCGCAACTATTTACCAACGAATTCAGGCAGTAAGGTTTCGTGGAATCAGA
GAACTACGCCGAATCCTGTTCTCCATTACCATTACCAAAAAAACGAAGAAAATCAAATTGACATTCCGACGA
GATCAAAACGATGCCCTTAATCCGCAAGGGATGAGAAAATGCCTACATTGTGAAGTGACGAAGACGCCACAA
TGGAGAGCAGGGCCATTAGGACCTAAACTCTATGTAATGCTTGTGGGGTCAGATACAAGTCGGGGCCGCTG
TACCCGGAGTACCGACCGGCAGCCAGTCCAACCTTTGTCCCCTGTTTACACTCCAATTGCACAAGAAAGTTCT
CGAGATGAGAATAAAACAAGTGAAGAAAGGTGTGGAGTTGACGGGGGAAGAATCACCACCGGAACTCATTC
CAAATACAGACAGCGGCATTATCCTGGGGTACATTCGACCGGAGAAAGCCATATTGACCGTCCCCTCTCAAAC
AATTCCTTAATTTTTTTATTTTTTTGTGAAAATTTAATTTGTAGGGGTATTTGTACAAAGAGATGGGGATTTG
GGAGTAGAAGGAAAGAAATAGAAAGAGAGAATTTAGAATATTTATAAGGGTTTTTAGGGAGAGAGATGATA
TATGAAGAGTAGAAAGACTAAGGGTTT

>trans_s_480 NM_124501|Arabidopsis thaliana ubiquinol-cytochrome C chaperone family protein
(AT5G51220) mRNA, complete cds

GATTTTAGACGTAGTAATTAGTAAGCCCAATTTCTGACCCAAAAACCGAAGGGCTGTAGCTGTAGCAATGTT
GGCGAAGTGGAGCAGGGTCACCCGCCATCTCTCGAGGATTGGAGTGCAAACCAACTTCAAATTTAGTACAGA
TCTCCATGTTTGTCTCATCGAAGTTACGCTAAAGTCGCGGCCGCTGCTGCTCCAGTATCGGTCAATTCGGAAA
AGGGGGTATCCGGCGGCCATGTGGTGCAATTTGGATAAAATGTTTTTGTGCAAGCCTTGCTCTCTGGCTTTGCC
CAAAGATTCACCATTGAGAATGGACGAACCACAATACGAGGGCATTAAAGCGTCTTTTTCTCAGAATGATGATG
TTTTATAGTAAACAAAGCAAGCATATTCGAGCTGCAAATGTAATATACCAACGGATTGTTTCACAAGTAGACA
AACCTGCCATATATGATGTGTTCAATTTGGAGAAAACATTTAAACAACATTTTCTCTGCTTGTCTTCACATGT
GGCTTTGTCTGCGACGCTTGAAAGAAGAAGGAAAGGAAGGTGTTGAACGTGGGCAGTATGTGTATGAACTTT
ACAATCATGATATGGAGCTGAGAGTGTCTAAAGCTGGGGTCAATTTGCTTTTGATTTCGTTGGATGAAAGATTT
AGAAAAAATATTTTACGGAAATATTGTTGCTTACGATTCTGCCATGCTTCCAGAAGCTGGGAAAGATGAGCTG
CCCAACGTCATATGGAAGAACATATATTCTGATGATGGATCAGCCATGCCAAATGGTGCTCCTGCATTACGAG
CTGTGCAGGCAATGGCTAGGTACACTCGTCGTGAAGTTAGTTGCTTGTCTTGACAGACAAAGAAGCAATATT
TTCGGGGAACTTCATGTTCACTCCATTGGAGACTGGGAAGCCAAGCACAAAGGATGGAAGGTGATAATTGCT
GAATGGTAATGATTGAGTTCTACCTTCAAAGGGAAAAGAAGTCATTTTATTAGCAACTTACCTAAATAATATC
CATAGAATTTTATAGAGAAGGTTTTACTTCTACCCTCTACTGAATCCAATTTATTCATAGAGTTTCAGTATCAA
TGAGGTGCCTTCACCGATTCTTCTACCTTTTCAATTTGCTTGATTTAGTTTTGTATTATTTTTGTTTGTGAGAAG
CTTCGTATGAATAGATGTTGAACAAAACCTAGCATTAGTCATAAATTTCTATAAGGAATCAAATGATCATGAACC

ATGGTCATAAAAAGTTATTGTAGAAGTTTCGACTTTACCTCATCTATTTTTGTAAATGAAATACTTGGGGTAGA
GTATAATGGTTGAATATGAATATAGATTGACTC

>trans_s_481 D86306|Cucurbita moschata mRNA for proton-translocating inorganic
pyrophosphatase, complete cds

TTCTTTATTGGCATTGTCTTGGTTTTCTTAGAGTGTCCAGAAGGCAACATTGTCTCAATATTTCTTTTTTCAGTC
TTTCCTCCAAAGTATTCCAATGATAATAACATTAATTTGTACGTGGATACCATGCTTGCCATCATTAGCAAAAAC
AACCCAAGTCAAACTTGATTATTTTTTTGTATTTTTCCAGGGTTTTGCCATTGGTTCAGCTGCTCTTGTGTCCC
TTGCCCTCTTTGGTGCCTTTGTTAGCCGTGCTGGTGTTGTCGTTGTTGACCTCTTGACACCCAAAGTTTTATTG
GCTTGATCGTTGGTGCTATGCTGCCATACTGGTTTTCTGCCATGACAATGAAGAGCGTTGGGAGTGCAGCCCT
GAAGATGGTTGAGGAGGTCCGAAGGCAATTCAACACAATCCCAGGTCTCATGGAGGGTACTGCCAAGCCCGA
CTACGCTACATGTGTCAAGATCTCAACTGATGCTTCTATTAAGGAGATGATCCACCTGGTGCCTTGTCTATGT
TGACACCCCTCATTGTTGGTATCCTATTTGGAGTCGAAACTCTTTCTGGTGTCTTGTCTGGATCCCTTGTCTG
GTGTCCAGATTGCTATCTCCGCATCCAACACCGGAGGTGCCTGGGACAATGCTAAGAAGTACATCGAGGCTG
GTACCTCTGAGCACGCAAGAACCCTTGCCCCGAAAGGATCAGATCCACACAAAGCTGCTGTTATCGGGGACA
CAATCGGAGACCCACTCAAGGATACATCTGGACCTTCTCTCAACATTCTCATCAAGTTGATGGCTGTGGAGTCA
CTCGTGTGTTGCTCCTTTCTTTGCCAGCCACGGTGGTATTCTGTTCAAGATCTTCTAAGAATGAAAGAGGAATGA
ATCTTTGTGCCATTACATCATCCTCTCCTCCTTCCATTGACATAACCTCTCCCCTCTACGAAATTTTCAATGCTTTT
TTTAGACTTCATATTATTATATGTTCAAGTCTGTAGCTTTGATCCCTTTTGAAGAACTTGTAGTTTCAAGTGGC
AGAGCCTTTTACCCTTTCATCGTTGTGATGATGATGAAGAAGAAGAAAGATAAGAAGATAAATCGGTC
AAATCTTGTAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGT
ACTCCTTTTCTCCTCTCTCTTTTCTCTGTTCAATGCTGAGTCCCATTGATTTGAGGACCTAAAATTTTGTG
AGGATCTTATACCAATGCATTCGTGGGTAAAAAAGGTTAAAAAAGGTTAAAAAAGGTTAAAAAAGGTTAAAAA
AAAAAAGGTTAAAAAAGGTTAAAAAAGGTTAAAAAAGGTTAAAAAAGGTTAAAAAAGGTTAAAAAAGGTTAAAAA

>trans_s_482 NM_001062780|Oryza sativa Japonica Group Os05g0551000 (Os05g0551000)
mRNA, complete cds

AAGCTTGTGTTGCTGAAAAAGATTCTGGGCTCATTGAGAGCTTGGACCAAATGATCAAATGTTCAAGCCTGG
TTGGAAAGATATTTCCGCATGAACCAAATGAACCTGAATCAGAAATCAGAAAGGTTTATCAGGACTCAACT
CTTGATCCAAGGAGAAAAGCATATCTCGTGCAGAATCTTATGACCAGTCGCTGGATTGCTGCACAGCAGAAAT
TACCTCAAGCAAATATAGAAGATAATTCCAATGGTGAAGATGTAAACAGGACGAATGGCATCTTTTCGCTGTGT
GGAGAAAAAAGAGTTTGGGTGTGAACATTACAAAAGAACTGCAAGCTTCTTGCTGCTTGTGTGGAAAGTT
ATTTACCTGTGCTGATTCTGTCATGACAATGTCAGCGACCACTCAATGGACAGGAAAGCAACATCAGAGATGATG
TGTATGAACTGCCTAACTATCCAACCAAGTTGGGTGCATATGCACAACACCTTCTTGCAATGGATTGTCAATGGC
GAAATACTATTGTAATATTTGCAAATTTTTTGATAACGAAAGGGCTGTGTATCATTGCCATTTTGCAACTTATG
CCGTGTTGGGAAGGGTCTTGGGATTGATTTTTTCCATTGCATGATTTGCAATTGTTGCCTTGGGATAAAGCTGG
AGAGCCATAAGTGCCTGGAGAAAAGTTTAGAAACGAATTGTCCCATCTGCTGTGATTTCTTATTTACATCCAGT
GCAACAGTCAGACCACTACCCTGTGGTCATTACATGCATTCAGCCTGCTTTCAGGCGTACACTTGCAGCCATTA
TACCTGTCCTATTTGTAGCAAGTCCTTGGGAGATATGGCGGTTTATTTCCGCATGCTTGACGCCTTGTGGCTG
CTGAGGAGCTGCCAGAAGAGTATAGGGATCGTTGCCAGGACATATTGTGCAATGACTGCGAGCGGAAAGGC
ACATCACGATTCCATTGGCTATATCATAAATGTGGGTATTGTGGATCATAACAACACTCGGGTAATCAAGAATG
ATACCACAATTGCTGATTGCCCTCTTCCAATCAGTAAGAGATTTGTTTTCCGGTGAGAAAAAAGGTTAT
ATACACGCTTTTATATTGCTTTTATTTGTACATATTAATTATATATCAATCCCTCTCCACCAGGAACTGGTTTT
TTGTTACATCTAATGCCACACAACACGTTGTTTCATATCCCGGTCTATGTAGATGTCCATTTTATATATTCATCTTG

CGAACTGTAAAATTGAATTTACTTTGATATTCAATATTCATAGAACATCATCGCCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_483 NM_124585|Arabidopsis thaliana ATBAG1 (ARABIDOPSIS THALIANA BCL-2-
ASSOCIATED ATHANOGENE 1); protein binding (ATBAG1) mRNA, complete cds

ACTCGTTTTATATTTCTCTTCTTTTCCCCTTTCTATCTTCCTCGTTGCAGTTTCTCTCACAAAATACAGAGGG
AGAGACACCAAATACTAAGTTTCTTCAACTTCATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTCCTTTATTTCTTTGG
TTCTCTCAACTTTAGCAAGTGGGGTGAGGAAATTTTCTCAAGGAACCAACTTCATGGCTAATTTGGCTGCAT
CTTGATTCTCTATGGTCTGACAGATTCTGGGTGTTTCAGATTTTACTCAAAGGAGAAACCTTTGTCTTCAAAGT
GGTCTTAGATTACAAACCCCTTCATTTCAATTCAACAAACAAGACTCCCATGAATTTTTGTTTCATTGTGGTTTTCT
CAATCGCTGTTTTAAACGCCTGTCTTTTGAATTGCTTCCACAAAACCTCTCTAAATGCTGCCGTCTCTTGTCTTCT
TCTGCAATACCCTCTTGAAGTTCTATTGGGTCTCTTTCGTTTCTCCACAGATCGCCGGGATTTGTTTTCCACGC
CGTCGAGATCTGCCGTTTTCCGATGTCAAAGTTGATGAAGTTGAAGACGAAAACGACAGAGATGTCAGAGAT
GAAGGGTAGTTCCACCGTCGGTGACAACCGACCGATGGATTGGGAATTACGGCCAGGGGGGATGCTTGTTC
GAAGAGAACACCTGATTCCGACACGGAATCAACTCCGGCGCCGATGATTAGAGTTAAAGTCAAATACGATTCT
ACTTACCACGAAATTAGTATTAGTTCTCAAGCTACATTCGGGGGAATTGAAGAAGATGTTGGTTGGACCTACGG
GATTACACCATCAAGATCAGAAGCTGTTGTTTAAAAAGAAAGAAAGAGATTCAAAGGCCTTTCTAGACAGTTG
TGGAGTAAAAACAAATCCAAGATTGTTGTAATGAAGACCCAATTAGTAAAGAAAGAAGGTATGTTGAGAT
GAGGAAGAATGCTAAATGGAGAGAGCTTCAAATCAATATCAGAAATCAGCCTTGAAGTTGATAGACTAGC
AGGACAGGTTTCTGCTTTGGAATCTGTGGTTGTAAAGGTGGGAAAGTTGCTGAGAATGATGTGTTGAATTTG
ATTGATTTGTTGATGAATGAATTGCTTAAATTGGATGCTATCATGGGAGAAGGAGATGTAAAGTTGCAAAGG
AAAATGCAGGTAAAAAGAGTGCAAAAATATGTTGAACTCTTGATTTGTTGAAGATGAAAACTCAATGGCTA
CAATTCAAACACAACCACAACCACAACCACTCAACTCCAATACAACAACAACCACTCTAATCATCAAAAG
ACAACAAGTACTAGGCCTTTCCT

>trans_s_484 GU984024|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY25) mRNA, complete cds

TCTTACTTTCTCTGATTACTCATCTTCTTCTTCTTCAATGATCTTCTTCTTGTAGTTCAGATCTTTCGT
CTCCGTTTCGAGTTTTCTTCTTAACTATGGCGGTCGATCTGATGAGTTTTCCGAAGATGGATGATCAAATCGCT
ATACAAGAGGCAGCGTCGCAAGGTTTGAAGAGTATGGAGCATTTGATTCGTCTTCTTCTCACAAGCAACCTT
CAAGCCATGTCGATTGTTCTGACCTAACCGATGCAACCGTTTCCAAGTTTAAAGAAAGTTATTTCTCTCTCAATC
GAACCGGTCACGCCAGATTCCGCCGAGGTCCGATTTCTTCGACTTCTCATCGTCTTCCGGTTCATCTGCTCATC
TCTCTCAAACCAGGCCATGACTCTCACTCCTACTCCGTTTACTTCACCGCCGAATGTTCTGCTCCGCCGTTCA
CCCTCCGGCTACTATCGCTCAGCCACAGACGAAAGTCGTCGCTGCGGCCGGAACCTTTCTACCTCAGCCTCAG
AGTATGACTCTCGATTTCACTAGACCGAATATTTGAACTCCAACCCTAAGGGAACCGATTTGGAATTTTCAA
AGAGACCTTCAGTGTGTCTTCGAGCTCATCGTTCATGTCCTCTGCTATAACCGGAGAAGGAAGTGTATCCAAC
GGAAAATTAGGAACGTCTATCTTTTAGCACCAGCACCAGCTGCTTCCGGTGTTAAGCCACCGCTCTCGGTCTG
CACCTTACAAGAAGAGGTGTCACGAACACGATCATTCCGAGGACTTATCCGGAAAATTCTCCGGTTCAACATC
AATTTCCGGGAAGTGCCATTGCTCGAAGAGAAGAAAAAATCGGATGAAGAAGACGATCCGAGTCCCGGCTAT
TAGTTCAAAAATTGCCGATATTCCACCGGACGAGTACTCATGGAGGAAGTACGGTCAGAAGCCGATCAAAGG
ATCCCATACCCGCGGGGGTATTATAAGTGTAGCACAAATGAGGAGATGTCCGGCGAGGAAACACGTGGAGA
GAGATCCGAACGATCCGGCGATGTTGATTGTAACGTACGAAGGGGAACACCGCCATACACAAAGCTCGTTAC
CGGAAAATATGGCCGCGCGGCTGGAGTAGCTTTAGTTTTTGAGTCAACTTGACGCTAGAATAATAATAATAA
GAAGAAGAAAAAAGTGGATTTAATTTGTGGAGATGAATGAGAAAGAGAAAGAGAAAGAAAAAGAAAA

AAAATTTGAATTTTGACTTTGTTTTATCTCTTCTGATGATTGTACATTAAAAAAGAAAAGACGAAGAAATTCG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_485 NM_130115|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT2G45530) mRNA, complete cds

ATGTGGGAGTGAGATTTGGCGCCTCAGTTGCTAAAGCAATATCCTTGTGTTTGTGAAAGCCTACAAAATAAC
GTGGAGTCATATACTCTTCTCTTAAATTACGTAATTCCAAAACCCATTTTCTTGCCTTTTCAATTCTCACCTAA
AAAAAGGAAAAAGGGGTTGAGAATTTCCCTATCCTTTTTCTTATTTACCTCTATTTGTACTGCTTCAACTGTT
GAATCTTTAATCCTTCAAGTCTAAGTCTCCAGGATGTGAGAGAATATTGAGCAAAAAGGGATGAATAGATGAT
CTCAGAAATGTTAGTCAAAAACTTTTGTTGTTCTATTGATTCAAGTTTGTGGAGTTCAAAATTGAAATGAAGCT
TTCGATGGATTGCCATTCAAATGATGTAAAGGCCAACGCCGGCAGGAATCAGAGCAATGAAGGCGACCTTGA
GAAGCAGAGAGTTGCTCAGCCATCATCATCATTAGAGCTCTCTACCAGAGATGGTGATGATAATACACCATTA
ACCATTTGTTGTTTCTACAGGGGAGTCTAAACCAACCTCTGAGGTTCTGGTCTGGGACTCTTTGCTCTCAAGA
AGAAGGGTCATTGGCTTGTGCAGTTTCCCCAAAAAGGAGTTCTCATCTACTGCTTCTAGTTCTGACGAGCAGT
GCAGAATATGTCAGCAAGAGAAGGAGGAAGTCTTGATAGAACTTGGATGTCATTGCCGAGGCGGTCTCGCAA
AAGCTCATCGGACTTGCATAGATACTTGGTTTCGTAATAAGGATCAAACAGATGTGAGATATGCCAGGTTGT
AGCGGCAAATGTATCACCTCCACAGTCACATCATGGTACCAACTACTGGATTGGAGGATTGATCCAACCTAT
AGAACTCAAGATCCCCAAAGGCAGTACTGCTTCAGTCCACTTTGGTTGGCTTTTGCCATTCTCATAGGAGGTCT
CCTACTAGATATTCTTATATCAATCACCTCGGTGTTTCCGCATTGCCTGTAAATATCATCATCGGAGTTATTGT
GGTGCTTGGACTTGGAAGTGTGTTTCGACTTGCCTGGAGTTCTTTCAGGAGTGGAATTCAGCAAGAGTATCA
CGAAGGGTGGAATCAAATGTCACTATTGGGTACTTTCCAGCTATATAGTCTTGAATGTTTGCTTATAAAAGAA
GAGAAAGGAAACGTTATATAAATAAAGTGAAAATATGTCTTATTCTGTTTTTTCTTCTACATGTATTGGCCT
CTTGATCAAACATATTAGTTAACTTACTGTGTAAATTTGACAGTAAATCAGTAAATATGTTTAGTGAAATTGC
AAGTGATGAGCAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_486 XM_002866259|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AATGCTTCTTTAATTTCGATGGAACAAAGAATGTTTCTTCTTAGTCTTGATGGGTTTGAAGAAATCCAGCTTTT
GGGGCCATCAAATTAATTGTACTCTTTGTTTCCGAGAACCAATTCAGTTTAGTCTCCTCCTGCGCAAGTG
GGGAGAAAAATCAAGAACGTTTGTGTTGCAAGATCTTTGAGAGGTTCCATCTCGGGATTGCAGGAATCGG
GTGGAAAAAATGGACGAAGAGGCTAATTCTTGGCTTAGGAGAACGAAGTTTCTCACACGGTTTATCATCGA
TGGGACTCATTAAGATTAAACCCAGTTCGGTTCATCGTCGAACCACCTCGCAATTCTGGCTTGAAATCGAGGCC
TTCATCAGCTTCATCTGCCAGAAGCCGAATCCTGATATTTGAAGATTCAGCGAAGTTTCATATCCAATAAAC
AGAGGTCTCTGTCTCCTCTCCCTGAGAGCAACCTCTCTGAAGTTTTCAAGGAAGCAAAATCCGAGAGTAAGAG
ATTCTCAACTCCAACCTCTGACTTAGAGGACGAACCTAAGGAATTCAAGAACAAGCTATTCAATAAGGACCCTC
AAGATTCAAAATCAGCCAATTCCAAGCCATCGTTGAATACCAGTCCCTTGAAGCAACTATCTTCAGGGAAAGG
GGGTGATAAGTCAAAGTTGAAGGACTCTTCTGGACTAAATATTTGATTCTGGAAAAGTCAACGCGGTTGAA
TCAGCGGATGACTGGACTGTTGATCTCTCAAGTTGTTTGTGGATTAAGGTTTGCTCATGGAGCTCATAGTCG
ACTTTATCATGGAAAATACAACGACGAACCTGTTGCTGTTAAAATTATTAGAGTGCCTGATGATGACGAAAAC
GGAACGCTTGCGTCTCGATTGGAGAAGCAATTCACCAGAGAAGTTACCTTCTATCGCGTCTCCATCATCCAAA
TGTTATAAAGTTTGTGCTGCTGTAGGAACCCACCTGTATACTGTGTCATTACTGAATATTTGTCTCAAGGATC
ATTAAGGGCATACTTACACAACTCGAGCACCAATCCCTCCCTTGCAAAAATAATTAATCTGCTTTAGATG
TCGCTCGTGGCATGGAATACCTTCACTCACAAGGTGTAATTCATCGGGATCTTAAGCCTGAGAATGTTCTTATT
GATGAAGACATGCACTTGAAAATTGCAGATTTTGGTATAGCTTGTCTGAGGCCTTTTTTGACCCATTAGCTGA

TGATCCCGGAACCTACCGATGGATGGCACCGGAGATGATCAAACACAAACCTTGTAGTCAAAAGGTCGATGT
GTACAGCTTTGGGGCTATGTTGTGGGAA

>trans_s_487 NM_001054967 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0804300 (Os02g0804300)
mRNA, complete cds

CTCTCAAATTAGCGCCGACCATCCCTCTCTCTCGCGTGCTCCAGCCGAAGGTGAACCTCGAGTTGCCCTCTCTC
TCGCAGACGCTTCAGCCGCCATTAGAAGGAGCCCACCACTGTCCGGTGCTTCTCTCCTTCTCCGTCCGCACT
GCCGTCAATTCCTCCGTTTGGTTCAATTCGTAGAAGGCTTACCAAACACCAAGTTTTAGTGAGTTTTTGAGATTTG
GAGTTATTTTCTCGTTTGCTTGAAATATGACTTCAAGACCAGAACTACAAGCTCCTCCAGAAATATTCTACAAC
GATGCAGAGGCTCGAAAATATACTTCATCCTCACGTATCATCGAAATTCAGGCAAAAATCACAGATAGAGCAT
TGGAGCTTCTTACTTTGCCTGACGACGGAGTCCCCAGATTGCTTCTTGATATTGGCTGTGGATCGGGTCTGAGT
GGGGAAACATTGTCTGAGCATGGACACCAGTGGATTGGTTTGGATATATCTCAATCAATGCTTAATGTTGCAT
TGGAGCGGGAACTGATGGTGAACCTTTACTTGGTGACATGGGTGAGGATTAGGAATTCGTCCTGGAGTTG
TTGATGGAGCTATTAGCATCTCTGCGGTTCACTGGTTGTGCAACGCTGACAAGTCCTCTCATAATCCTCGACTA
AGATTGAAGGCCTTCTTTGAATCACTATACAAATGCTTAGCTAGGGGTGCAAGAGCAGTGTTGCAAGTTTATC
CTGAAAACGTGCATCAGCGTGAGTTGATTCTAGGTTTTGCCATGCGAGCAGGATTTGCTGGTGGTGTGCTCGT
TGATTACCCACACAGTGCGAGGAGTAGAAAAGAGTACCTAGTGCTGACTTGCGGTCCGCCATCAATTAGTACA
ACTGTTCCAAAGGGAAAAGATGGAGACTGTGAGAGCTGTTCTGATGATGATGTTGCTGAAGATGATGAAAAT
CAAACCGTTTCGTATGGCAGCACCAAGGAAAAGGCAGAAAATCATGAAGAGAGGCAGAGGAAGAGAGTGGG
TACTGAAGAAGAAGGAACAGATGAGAAGAAAAGGAAACATTGTCCCTCCTGACTCGAAATACACAGCCCGAA
AACGCAAGGCTCGTTTTGAATATTGCATTTTTCATTTTATTCTGTGAGATTACTTAAGCTATTACATAAAAAG
TTATAAGAATTATTGAGCTTTGATTGAATTTTTCCGTCCGTCTTCAAATTCAACCATATATATTATGTATATGGC
GAATGCATTGAAGGCAGAGTGAAATTTGTAGTATATGTTATCAGTTATATTATTGAGATTAGTTTTTATAAAA
AAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_488 NM_120173 | *Arabidopsis thaliana* epsin N-terminal homology (ENTH) domain-
containing protein / clathrin assembly protein-related (AT4G40080) mRNA, complete cds

AAAATTATTTCTTCTTCTGTTGTTTAGATGTTGATTCTCTCAGCCTTTCAATGATGAACACAAAAAGATTGAGTT
CCCTAATTGGACTCATCAAAGACAAAGCCTCTCAAAGCAAAGCCGCCCTTCTCGCAAAGCCAAACATACTGTCC
TTTCAACTCGCTCTCCTCCGAGCCACCACTCACGACCCCCACGCGCCACCAAGCGACAAGCACCTCTCTGCCCT
GCTCTCTCTTGGCAAAACCTCACGCGCCACCGCCGCTGCTGCCGTTGAAGTCTTAATGGACCGCCTCCAAACCA
CCCATAACTCCGCCGTCGCTCTCAAGTGCTTATCGCCGTCCATCACATCTTCAAGAACGGGGGCTTTATTCTTC
AAGATCAGCTCTCTGTTTTTCCCCTTCACCGGTGGTAGAAACTACCTCAAACCTCTGATTTCCGGGACAGTTCC
AATCCCATTCTTGGGAGCTTTCTCTTGGGTTAGATGGTACGCTCAGTACATCGAAACTGTTTTGTCTATTTC
CGGAATTTGGGGTTTATTGTCGGTTATTCAAGCTCCAACGAAGAAATGGAGAGAAAAACAGAACAGATTTTCG
GGGATTTGGAACCTCCGAATTGCTTAAAGACACCGAATCTTTGGTGGGTTTAATCGAAGAAATTTGAAAAATGC
CTCCCTGTCTGCATCTAAATAGAAACAGATTGGTGGATAAGATCTACGGCTTTGTCGGTGATGATTACTTGGC
GGCCATGAAGGATATTTCAATCCGAGTTACTGAGTTTCACCACCGGCTGGGTTGCCTCAGTTTCGGCGAATCG
GTCGAGTTGGTTTGC GCGTTGAAACGGCTTGACGATTGCAAAGAAAAGCAATCTATGGGAATTTTGAAGGT
ACGAAGTTTTGATGGATGGATTTTGGAGTTCCATCCGAGAGACCAAGAATTTGATTGGGGCATCCAAGGAAA
ATCGAGATGGCTGTAAATTGAGTCAGATGGAGAGGAGGATCAGTGAAGTGGGCGGATTATAGAGCGGTCTA
ATGCTAGTTCTTATTGCGACGTTCTTCCGTTCAAGTTCGGAACGGTTTCGGTTTAACGTACAAGGGTTTCCAGTAA
TACCTATAATTGAATCGTACTTTCTACCAGAATGTTGAAAAATCAGGTATGTAGCATCGATTTAACTTTTCATCAT
AGGATATATAGCCTCAATTTAACTTTTATTTGATATATGACAAAACATAGTATTCTTGGGATTTTATGCAAAAT

[illegible]

>trans_s_491 NM_116866|Arabidopsis thaliana ATCSLC12 (CELLULOSE-SYNTHASE LIKE C12);
cellulose synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATCSLC12) mRNA, complete cds

TGGTGGGTGGTTGGAAAGGACCACCGTTGAGGACATGGATATCGCCGTTCTGCTCATCTTCATGGATGGAA
ATTCATATTCTAAACGATGTGCGAGTGCCAGTGTGAGCTACCAGAATCTTATGAAGCTTATAGAAAACAACAA
CATAGATGGCATTCTGGTCCAATGCAATTGTTTCGCCTTTGTTTGCCTGCTGTTATTTCGATCAAAGATTAGTATA
TGGAAGAAGTTCAACTTGATCTTCCTCTTCTTTTGTCTCAGAAAGTTGATTTTGGCCTTCTATTCTTTCACACTTT
TCTGCATAATTCTCCCAATGACAATGTTTGTTCTGAGGCCGAGCTACCCGCTTGGGTGCTTTGCTATATCCCTG
CAACCATGTCATTTCTAAACATCTGCCTGCCCCAAATCCTTCCCTTTCATTGTCCCTTACCTCCTTTTTGAGAA
CACCATGTCAGTCACCAAGTTCAATGCCATGATCTCAGGCTTGTCCAGCTCGGTAGTGCCTATGAATGGGTTG
TTACAAAGAAATCTGGCCGTTCTCAGAGGGCGATCTTGCTCCTTGGTAGAGAGAGAGAAAAAGCATCAGA
GAGGGGCTTCAGCACCCGACCTAGAAGAGCTGAAAGAAGAAATTCAGAAGCAAGAGAAGAAAGCTGCTTTA
CGAAAGAAGCACAAACAGAATATACACAAAAGAGCTCGCATTAGCTTTCCTCCTCCTAACCGCATCCGCACGGA
GCCTTCTGTCTGCACAAGGTATCCATTTCTACTTCTTGCTGTTCCAGGGGATCTCGTTCTGCTGGTCGGTTTG
ACTTGATCGGCGAACAGATAGGTTGATTTGTAAAAATGGAAGAACTATGTAGGACAAAAAGAAAACAAGAAA
ATCAGTAGAGAAAAAACAATGGTGGAATGGGAAAAAAGACACAACAACAATGGAATAACTTGAAAGAAAA
AAGAAATTTGTGTAGTGAAAGATGAAGAAAGCCTCAGAAAATGGTTCAACAATAGAATATGTCAGCAATTCCT
TGTAGTGAATGTCAAGTCCAATTCACCCAAATACTGTCAAGAGAGAGCATTATATGGACACAAGCAAAAAAC
ATAATATTGGAGAGAGACGCTTATTTCAAATGGCGATGCTCTTCCAATGTATGTATGTAGGCCTTTTTTTTTT
TTCTTCTTCTTTGCCTCATAATGTTGTTTTATTGTTTTCAATACTTTTGAAGAAAAATTTGAACAT
CAAAAACCTCAAAAACAAGGAAATTAGTCAACTGTTGGAATTGACAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_492 AL161593|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 89

ATCCATTTTCGCTCGCTAACAAACGCAACCTCAATTCTCACACAATCTCAAACCACAGCATCAATCGGCGGCA
ATGGTTTCTTCTCCATGGGGAAAACCCGGCGCTTGGGCCCTCGATTCTGAGGGACACGAAGCTCAACTCCTTA
AAGAACAGGAACAGCAGAAACAACCTGAACTCAGCCTCGATTTCCCCTCCCTCAACGACGCCTTAGCCACCAA
GCAGAAGAAGAAAGGCCAACTCTCTCATTAGCCGAGTTCAACACCTATGTAACCTACCGATTCTGAGATCTGAG
GATTTTATGGAACCTACCCACCGGCCCTCGCCAACGGACGGCGGAGGAGCTCGACCGGAACAGGCTCGGTGGT
GGGTTCAGGAATTATGGTTCAATGGTTCTTATGAAAGGAATAATAGGTATTCTAATGCGGATGATTTCGTCTA
ATTCGAAGTGGGGTTCTTCTAGGGTTTCTGATGAGAATCGGAGGAGTAGTAATGGGTCTAATAGAGCGGATT
CGAGTAAGGAATTTACATCTTCTAGAGCTGATGAGGTTGATAATTGGGCTTTAACTAAGAAGCCCATGGCTGG
GAATGGATTCTGAGAGAAGGGAGAGAGGATTAGGGTTTTCGGATTGCAATCGTCGAAAGCCGATGAATCAG
AGAGTTGGGTTTCTAATAAGAGCAATATTCCGTCCGGTGGAAGGAGATTTGACAGAGAGCGACGAGGAGGG
TTCACAGCGAGCGGCGGGCGGGCAGATTCAGACAATTGGGGGAGGAAGAAAGAGGAAGGTAATGCCGGTG
GCGTCATTGGTAGTCGGCCAAAGCTTAGTCTACAGCCACGTACGTTGCCGTTGGCGATGGGAAATCGTCGG
AGATATCAGCGACAGCAGCGAGGTCCAAGAGTTTCAACCCATTTGGAGCAGCGAGGCCGAGGGAAGAGGTA
CTAGCCGAGAAGGGACATGACTGAAAAAGCTTGACGAGCAGCTAGAGCCGAAGATTAAGGAGGTGTCACT
GGAGGAGAAGACAGAAAAATCTAACGCCATTTCTTTAGGAAAAGGAGCTTTGACAATGGAAATAGCCGGGC
TGCTGAGGACAGAACAGAGAAGAGCTGGAGAAAACCGGAGTCGCCACCGCCACAGGAGTCTCCGGAATCTC
GTCCCGAAAGTGGAGAGGAAAATGTAAATGGAGATTGCGACGGCAAACGCGAACACGACGGGGACGAGAA
TGGAGCTTGATGAATGTGATGTAAACTGAGAGATCGAAGTTTTGGGGGTGACGACAACATTCTCTAATGTTG
TTATCTTTATAATTTGCCAATGAGAAACAATTTTGATGTGTTCACTATAATGTCT

>trans_s_493 NM_127085|Arabidopsis thaliana UNC-50 family protein (AT2G15240) mRNA, complete cds

AACATTTGAGGAGAGAGAGAAGAGTGTAGAGGGGGGAGAGAGAGAGAGAGGGGTCATTTCCACCTTCTTCGCC
CGTTTTCTGAAACTCGTCGACGGAGAAGAGGAGAGATAGTTTGTTCGGAGAATTCTCAGATCTCAGACCAAAT
TACTGGCTATACAACAATTCAACTTTGCGCGGTGAACTACAACGCTCAATTTGTACCAACACAGAGATGTTGC
CCACAGCTTCCAGAGGGCGCTCCTCGTCTCTACATCTCGAACTAATCCCATGTATCTACAGTACCTTCGTGCA
ATTGTCAAGTGGCAACAAATGGACATCGAATATACATTCTGGCAAATGCTTCATCTCTGCACGTCACCAAAAGT
TGTCTATCAGCATACCAAGTATCACAAGCAAATAAGAATCAGTGGGCTCGTGATGATCCTGCTTTTGTGTGA
TCTGCAGTCTTCTTTGGCTGTTGCAACCCTGGCTTACTGTGCTGCATATGATCATAGTGCTGCACATGCCTCTT
TTGTAGTTATTTCTGTACTGATCTTCCATTTGCTAATAACTGGAGCGATTTTGGCAACTTGTTGTTGGTTACTAA
CCAATGCTTACCTTCGAGAAGAGACACCAGGCAGTCATGTAGTTGAGCAACGGGTTGAATGGCTCTACGCATT
TGATGTGCACTGCAATTCTTTCTTCCAATGTTTGTGTTTGTCTTACGTGATCCATTACTTTATCTCACCGCTTCTG
GTAGCCCATGGCTTCATTCCATTATTGCTATCAAATTTGCTTTTCATGATTGGCGCTTCGTATTACCATTATGTCA
ATTTTTAGGTTATGACGTACTGCCATTTTTGGAGAAAACACATTCTTCTTTATCCAATTGGTGTGGTCTTTG
TCCTTACTCCAATCTTTATACTGATCGGCTTCAACCCTCAAGATATTTTCATGAACATGTACTTTAGTCAGAACTT
ATAATCTCTCGACGTCCGTATTCGACTCCAGCTTGCTTATCTTGAGGCAGGACGATTGATAGATCAAAAAGAGAT
TTCATCCACACAAAGTTACTAATGACTGCATTTATTTTCACTTGCATCTTGAAAGAAAACGAGAAATGTCCGTTT
GGGTCGTTAAAGCCTCAGTGGCTAATTTTTCCGGCCTTTGAACGGAGATATCATCAGGAATGGTAGGGTAGG
ATGTTGGTATCTTGTGCGTCACGGCTGCAAGTGAGGTGATGCGGCTGAATTTTTGATGAAATAGATCTGTTTG
AAAGGAATGATTTTTACAATATACATTTTGTCTGCAGTTTAAATATATATATACTCCAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_494 NM_124481|Arabidopsis thaliana CRL (CRUMPLED LEAF) (CRL) mRNA, complete cds

ACGGCCGTTCTTTGTGTATATATCGAGAGAGATTGAAGAGAAGGAAAGATCCCGCCTTGATGTGGCGAAGTT
TCACAAAACGACGCCCAATTTTTGGTAATGGGAAGTGAGGGAGTATTGGGTTCTCTCAATTTGACGGCACTA
ATTTAACGCTCACCTCCTAATTTCTCTCCATTTGCGCGTCGCTTCCAACGTTTTCTTTTTTTTTGTTCTTACTTC
TCTCTGTCCCGCATTCTTGGCTCTACTCTTGGAGCTCGATTTTGTGCTTGAATCATTTGGGGGAACCTGAA
GAAGATTAGGGATGATGGGTGTTTGAGAACTGAGGAAGGGAAGCTATGGGTACCAATCCAATGATAATAAC
AACTCAGTAGGATGGAACAGAGCTGGGGGTTTGATAATGAAGACTTTGGTACTCGTTGGAGGTGCCCTTTTG
CTTAAACGCCTTACCAAGTCCACAACGCGATGGGATCATGCTCGCTTTGTATCTCAGTCCCTTTCTGGCGAGAA
GTTTTCGAAGGAGCAAGCAGCTAGGGATCCTGATAATTACTTCAATATTAGAATGATTACGTGCCCTGCAGCA
GAAATGGTGGATGGTTCCACGGTGTTATACTTCGAACAAGCTTTCTCCAGAACTCCTCAGAAACCTTTGCGCA
GAGATTTTATACGGTGAAGCCTTGTTGAAAGAGATGAAATGTGATGTGGAGCTAAGCTCATATGCCATTCGG
GAAATGGAGGAGTACAAGAACTTTGTGATCGGACAAAAGACCAACGTCCTCTTCTCCTGAAGAAATTGTTGGG
GACATTGCAGAGCATTTGACTACTTTGCATCTTAAGCGTTGCGATCGTGAAAACGTTGCTTGTATGAAGGAT
CAACTCCCCCTGGTGGTTTTCAAATTCATGGAATGGAGCATCCTATTGTACTTCCGAAATTGCTATCCTAAAG
AACAATGAAGTACATACCTGGGAAAGGGGTTACGACGAAGATGGAAACCAGGTTTGGGGAACAAAAGAAGG
ACCTTACGAATTCAAGCCAGTTCCAGCCTCCAGTCTCAAAGACATGTTTTCTCCATTAATTTCTCTCAGCCGTC
CATGGAGAAAAGAATACTAGAGGGTTCATTTGTCTTGCAATAACAGTCACCTAATAATTTTTCTTATCTAATG
TAAATTTCCATCACCTTTCTCTCTAAAATAAGATCTTATATGTGCTTGTGATGTTTTGTCTCTCTCGTTTGTCTT
TGGTCAAATGTTTTTCATGCGTATTATTACAGTTGAAAGTGCTGTCGAATCTTGAAAGCAAGCAAAATGCACG
CCAATGCTCACTCTTCTAGACNAA

>trans_s_495 NM_124536|Arabidopsis thaliana band 7 family protein (AT5G51570) mRNA, complete cds

AGCGATCGTAATCTATCGTGCCGGAGTCAGCGGGTTTTCAAGTCTACGGAAGTCAGCGGCGAGGTTTTGCGG
AGAAGGCGGAGAGAGATTTCCGATGGGGAATACGAATTGTGTGTTGTTGGGTGCGTGGAGCAATCAAGTGTT
GGGGTGGTGAAAGATGGGGAAGGTTTGAAAAATTGGCTCAGCCTGGGCTCCATTTCTTCAACCTATTCGCT
GGCGAGTGCCTCGCCGGTACCCTCTCCACCAGAATTTCTTCCCTCGATGTTGCGATTGAGACCAAGACCAAGG
ACAATGTCTTTGTGCAACTGCTGTGTTCTATTAGTACCGAGTCGTCAAAGAAAATGCTGATGATGCATTTTAT
GAGTTGCAAAATCCTCAAGAACAAATTCAAGCTTACGTGTTTGATGTGGTTCGTGCTGTTGTTCCAAAAATGAA
TTTGATGAACTATTTGAACAAAAGGTGAAGTTGCTAAAGCTGTATCCGAGGAACTTGAGAAGGTGATGGG
AGATTATGGATACAGTATAGAGCACATTCTAATGGTCGATATAATACCAGATGCTTCTGTGCGCAGGGCAATG
AATGAAATTAATGCAGCTCAAAGGCTTCAACTTGCTAGTGTGTACAAAGGCGAAGCAGAGAAGGTGCTCCTA
GTAAAAAAGGCAGAAGCCGAAGCCGAAGCAAAATACCTGGGCGGTGTTGGTGTGGCTAGACAGAGGCAAGC
GATCACAGATGGTTTGAGAGAAAACATCTTGAAGTTCTCTCATAANGGTGGAAGGCACTTCAGCCAAAGAGG
TCATGGATCTGATTTTAATCACTCAATATTTTGACACCATCAAAGACCTTGGAATTCCTCAAAGAACAACACT
GTATTCATACCTCACGGGCCAGGCCATGTTAGAGATATCAGTGGCCAAATACGCAACGGCATGATGGAGGCT
GCTGCGAGCGCCAGGCCAGGGTCACAAATGATGAGGTGAACATTGATTACTTCAATGATTCATCAGACACC
ATGTATATGTGCTTCTTCTTCTCCACAACCTTGAAAAAATTGTTCTTTATATGTGACGAGGGTGTATAAAAAATA
TAACGATGTGCAAAGTCGATATACTTGTGTTTGGTTTGTGCATAGAGGGTTCAATAAGCTGGAAAAATGTATCT
CCTGATATAGAGATTTTTTATCACTACTTGATATCCCTATTTACAAATTAAAATGTTCTGTAATTGTCTTGATTT
CTTCGCACCATTATGCCTGAGACAAGAGTTTCATGGCCATGGCCATGGCCATGGATTGATAAATAAAATTTTT
GTATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_496 NM_100722|Arabidopsis thaliana CPNIFS (CHLOROPLASTIC NIFS-LIKE CYSTEINE
DESULFURASE); cysteine desulfurase/ selenocysteine lyase/ transaminase (CPNIFS) mRNA, complete
cds

CTTTTCGATTCTCAAAAACCATAGAGGATAATGGAAGGTATGGTCTGAAGCTCCCATCCTTCCATTCCCAATTT
CAATTCCAGCTCATGAACCTAATCGTTGTATTTCTTGTCTCTTCCACCCTTCGTGCTTCTCTTCTCTCTCTCT
CCGCTTCGGTAATCCCAGATTTTCTCTCCCTGTGAGTTTCTGCTTCTGCTTCCACCGCCAAGGAAACCGACAG
CTTGATCTCAACTCTCTTCGCTTGCCACACAACCTCGCCCCGATTTCCCATCCTCCATCAGGAAATAAATGG
CTCCAAGCTTGTCTACTTAGACAACGCTGCCACTTCTCAGAAACCAATTTCTGTGTTGAATGCTTTGCAGAATTA
CTATGAGGCTTCAACTCAAATGTGCATCGTGGCATACTCTTGTAGTGCGAAAGCAACTGATGAGTATGAG
CGGGCAAGGAAGAAAGTTGCATCCTTTATCAATGCTGGAGATGCTAAAGAGATCATTTTTACCAGGAATGCAA
CTGAAGCTATCAATCTAGTGGCTTATTCTTGGGGTCTAGCGAATCTGAAATCGGAAGATGAGATCATACTTAC
GGTTGCTGAACATCATAGTGCCATTGTTCTTGCAACTGTAGCTGAAAGGACCGGTGCTGTTCTGAAGTTT
GTAAGTTTAGGTGAACATGATGTCCAAACTTAAAGGACTTCAAGGAAATGTTTTCAACAAAAACGAAGCTTG
TGTTACCCATCATGTCTCAAATGTACTAGCTTCTGTTCTTCCAATTGAAGAAATAGTTGGCTTGGCACATCGTT
TTGGGGCAAAAGTGCTCGTAGATGCATGTCAGAGTGTTCCGCATATGGTTGTCAACGTCCAGGCGCTTGATGC
TGACTTTCTCGTTGCTTCTCTCACAAGATGTGTGGGCTACAGGCATCGGATTCTGTATGGAAGATTGACC
TGCTGTCTGCAATGCCTCCATTCTTAGGTGGTGGAGAGATGATCTCAGATGTATTTCTTGACCATTCACGTTT
GCACAACCACCTTCCAGATTTGAAGCTGGGACGCCGCAATTGGAGAGGCAATTGGTTTGGGAGCTGCTATT
GATTATTTATCTGGGATCGGAATGACAAAAATTCATAGTTATGAAGAAGAATTGGCAAATTATCTATATGAAA
ATCTTCGTGCGGTCCCTAACATTTCGGATATATGGGCCAGCTCCACAGCACATGTTCAACGTGCTGCGCTGTGT
TCTTTCAATATTGGAGACATTCATCCAACAGACATCGCAACATTTCTCGATCAACAGCATGGTGTAGCCATCAG
ATCAGGACATCACTGTGC

>trans_s_497 BT005335|Arabidopsis thaliana At4g15450 mRNA, complete cds

AATGGGGTGTTCAGCTTCGCCCCCTCCAAATCTCAAGCCTCCATGAAGCCCTCTAACTCCATTCAATCTCCTCT
GAGAAATCCCGAACCACAAAAGCTCAAACAAGAAGTACTTTTACAGATACAAGGATGTAGAGTTCATTTAATG
GATGGAGGAGAAGCTCTAGAACTTGCCAATGGAGAGTTTAAACTCGAAAGAATCTTGGAAGACGAAGTTTCC
CTCGCAACAATTGTAAAAGTTGGCGACCATCTTCAATGGCCTCTAACTAGAGATGAGCCTGTAGTGAACTTA
ACTCATTGAACTATCTGTTTTATTGCCAATGAAAGATGGTGATCCTTTAAGCTACGGAGTGACATTTTTGGAG
CAGAATAGCAGCAGTTTGAAGTTGCTGGATTGTTTTGAAGGACAATTCTTGCTTCTTCGTCGTCGTCGTC
ATGTAATGCGCCGAATAATAAGAGCATGATTAATTGGAAGGAGTATGCGCCGAAGATTGATGATTATAATAA
CATTTTGGCCAAGGCAATTGCTGAAGGAACTGGGCAGATTGTGCAGGGGATTTTCAAATGTAGTAATAGTTAT
GCCAATCAGGTAAACAAAGGAGGTGAAATGATTCTTAATAGTCCTCCAGTTGCAAGTGTAGAAAGATCAGGA
AGTTCTCTTAGTGCCACCAAAAATCAACAAAAGCTTAAACGGGTAAAGAAAATGTCAAAGATGACAGAGAAG
CTGAGTAAATCCATGCTGGACATGGTTGGAGTAGCTTCAGGATCAATGATGGGTCTGTGATGAAATCCCAAG
CAGGAAGAGCCTTCTTTGCCATGGTTCCAGGGCAAGTGCTGTTGGCATCATTAGATGCAGTCAACAAGATAAT
GGATGCAGCAGAAGCAGCAGAAAAGCAAGCACTTATGGCAACAACACAAGCCACAACAAGAATGGTGTCAA
ACAAATTTGGTGAAAGTGCAAGGGGAAGCAACTGGGGATGTTCTTGCAACAGCAGGCCATTGTGCAAACTAGT
CTTGGAATGTTTTCAAATTAGGAAGGCCATTAATCCAGCTTCTTCTGTTTCTGCTGGAGCCCTCAACAATGCT
GCAAAAAGTAGAACTTTTAGCCACAAAATGGATGAACTCTCCCTAATATACCTAAGAATATTGTTTTAATA
TTCTCCAACCATCGTTTGTTCAAATGACTTCGAATCGTGTATCTAGGATTTGATAACGTTGTTTTAAGTTTCCTT
AGCAATCAAATGTAATATGCTAGTCTTGTGAAAGACTAGCCAATGCCTGTGTAATACTAGTTCTGATGTTTAGT
GAAATCTCGATGTATAAAATATTTTAATCTTTG

>trans_s_498 GQ925907|Solanum lycopersicum heat shock protein binding protein mRNA,
complete cds

ACTCATTCCAAAATTTAACTACACTTCCCTCTTCTCCTCCTTTAATGGCGTCCGTCGCTACTGCTGGATTCATC
GCACGATCTTCTCTTCTTCTCCTCTTCTCCTGTATTGCAATACGAATCGTCCGAAGAAGAATCGGACTTCC
TCTAATCAACTTAGGGTTTCTTGTTCTTCTTCTTCTTCCGTCGCGCGATCCTTATCGAACTCTTCGGATTCAACCCG
GTGCCTCTGAATCCGAAGTCAAAAAGCCTTCCGACATCTCGCTCTTCAGTATCATCCTGATGTTTGTAGAGGG
AGTAATTGTGGCGTACAGTTTCATCAAATCAACGAAGCTTACGATATTGTGATGAATAACTTAAGAGGTATAT
CAACGCCAATAGAGACATATGAAACAATATATGATGAAGGGATTGATGAACCGATGAGAGGAATGGGGGAT
CCAGATTGGGACTTATGGGAAGAATGGATGGGATGGGAAGGAGCAGGAATTCGTGATTATTCATCTCATATT
AATCCCTATATTTAAACCCAAAAACAAAAAGTTAAAAATCAGTTATGAGTTGTTCATAGAATTGGTCTTTAAT
CTATCAACATCAGCAACAACCAACGGTTGTGATGATTTGGTTTGGCTTGATATATGGTGGGAAAAGAGGGG
AGGTTGAAAATTGGTATTAATTCATTATTGTGTGTACCCTTTTTTCAAGAGGTGTTTGTGTACATATGGTCAA
GAACAGAGCCTTTTGGGTCTTTTAATAATATGAAAAGGCTTTGAAGAATGGCCTATCAAAGTTGTGGTGGGAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCCCAAACTTTATCGATCCCCCAACCCCAAGGGGGGGGCC
GGTACCCATTTCCCCCTAAAGGGAGTCGAATTACCCGCGCCACGGGCGCCTTTTTAAACCTCGGGACGGG
AAAAACCTGGCTTTCCCAATTTAACCCCTTTGCAACAAATCCCTTTTTCCCAAGTGGGGGAAAAAACAAAA
GGCCCCCCCCATTCCCCCTCCCAAATTTGCGCACCTGAAGGGGAAGGGAACCCCCCTGTAGCGGCCCA
TTAACCGCGGGGGGGGGGGGGGTTACCCGCACCGGGACCCTAACATTTGCCAGCGCCCTAGCCCCCCTCCT
TTCCTTTTCTTCTTCTTCTTCTCGCCACTTTCGCCGTTTTCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCTTTAG
GGTTCCAATTTAGGGTTTTACGGCCCCCTC

>trans_s_499 NM_115408|Arabidopsis thaliana RBL (REBELOTE) (RBL) mRNA, complete cds

AGCCAATTCTGCATAAACACATGCAATTTCTGGGGGACTCCTTCGTTGAGTTATGCTCTCTTGATGTCCATAGA
TCTACTACTAGGGCCAAGTTTTCAATCCGGCAGCTCACAAAGATACTACATCAGGGTTTACGAACGAAGAAAA
AAGAAGCAGTCCAGATGATGCGCAGTTGGCAATTTATCAATTGCATTGATCTCTGGGTCAAGTTCATTGTTTAA
ATTTCCAGAATTATGATTTGCAAACACTGCTCTACAATGTTATTAGATTATAAATGGAGTGGCTGTATTGTTTC
CTGGTCCTAGATATTTACCATTACGAATTAATGCATTCAGTGGTTGAATTATCTTTCCAGATCCTGTGGGATTT
TTATCCCTGTTGCATCTATGGTGTGGATATTTTGGACATATAATTGTCAAGGAGGGCAAGAATCCAGGAGT
TGTCTTCCACCACTTGTCTGTCCTACAGCTGCCAAAATATTGGTTGAAGTCGCAGAACTTCGTGGAGGAATGTG
TTTCATCTACCATTGAACTTTTATCATCTCACTTTTCTCAATGGAGTCGCCATATATCCTTCCCTGAAGTGTCTAC
TATTCCACTTATTCAACTCAAGAAGTTTCATGCGACATCTACAACAGAGAATCTCAAGCGTTTGACAAAACGTT
TTATTGATCAGGTTGAGCAGAATATCGACTTCATTAAGAGAGATGAAATCTCGTTTTACCCCAACGA
TCAGCAAGCTGCTGAATCATTTCTCAGCTAGAGAAATGCAACAGCAACGTTCCATTATACAATATTACAAAA
GCATATTGGACAAAGCTGCATCCAAGAGTCTGGCTGTGGATAAAAAGTTCCTTGGAGCCAACAAAAACAAAA
AGAAAAGGCAGCAGCATGAAAAAATCAGCAAATTGAATCGGCTGCTAACGGCAACGTACATCCAGAGAAG
AAAAGAGGGGAAAAAGAGGAAAACTTGAGAAGGAACAGGTTTACCTGCCCTTCTCTCTCTCAAATATTAATA
CTATTTTTATCCCTAGAACTCTCCGTTGGTAAATTCAGAAGATAATTTATCCCATAGATCAGAAGCCATCAGG
TTAGATACTAGAATTGACTTCTAGCACACAAGAAAGTTGCCATTAGTGAAATTAATGCCGAGAAAATAGTCG
TGATAGATTAGTTAGAGCATTGAAATTCATTGTCTTTGGGGGTAATATCAATTTGTTTGGATAATTGAAAGT
GCAAAATGTTTAGAAGTCTTCTTGATCGTATCTTTATACCAATTTTGCTTGTTGAGTACTCTAAAGGCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_500 NM_129348|Arabidopsis thaliana emb1513 (embryo defective 1513); copper ion
transmembrane transporter (emb1513) mRNA, complete cds

ATCTCGGCGCCACCTCCTCCATCAATTCACAGTTTTGCTACTTTCGTCTGGTCTGGCATTAGGGCTCTCTATTGC
CACTTTGATTTCTTCAGCTTCGAAGTATCAACGAAGAAATGCCTATTCTCCAACTTCCCTTCAATTTCAATCCC
TCTTCGTCCGCCCTTATTCTCCTTCTCTCAGTCTCTAACTGGTTCAAACACCTCTCATACCTTCCAAATCGGATG
CCGATCGTCACAAAGACGACAACGCTTATTGCAATGGGCGGAGGTCTAGAACTTATCCCGGTGGAGTGTCTG
AAGTGGCAATGGAAGCGCATGCAGGCCAAGAAAGCTAAGCAGCTGCTTAAGGCCCCGTTGTGCCGTGAACG
CCAGATATACGAGATGCGTAAGCGGGCTGAGCTTAAGGCGGCTGTATCCGAGCTGGAGAGACCGTGGGAGG
TTGTGGAGAAGGCTCCCAATTTGTTCTCCGTTGGCGCCGATGAACAGGTGAAGGTTTTGGCGGATAGGTTCCA
AAGACCTGGTGGGTTCGATTTGTGGACGGAAAGAGATGGGCCTCAATTGTTTGAGACGGTTGACGAACTACC
TTCTGCAAGGTTTTTCCCTAAAGGGGTGGTTCACAGTGTAAGGCCATATAGAAGTATTACTGCGTCGGAAAGT
TCGTTGAGTTTGGATTCGGAAGTTGGAAATGAAATTGCAGCTAGTTTTCAGGAAGATAATTTAGGACTCACC
GGAGGTCTTCTAACCGGAAATTGAGAAGTTTTTCTGTGGATAAAGAAGAAGATAACACAAATTAATCAGATTA
CTCGGATACAGAGGGTCTTATCCGAGGCATTCTCTGCACCATCAAATAGTAATGGTACAAAAGGAAATATA
TACGAGGAAAGAACCAGGAATCGAAGAACTGAAAGAAACCTGAAGCCTTCTAAGAGAGGGTTGAATCCAGG
AAAAAATGGGTTGGATAGAAGACAAAGAGTCCCTGGTTTTTCAGGCGCACAATGGAAATACACAGTATGGAAG
AGGCAAGGATATCAGGCGATCCAGGGGTTACATTCTGAAGTTTATGATATGAGTTTGGAGCAAGATGGGAG
TTACAGATTCCAGCCTATGAAAAGTCAGTCAACCTGAACGATATGACCCAAGTTAAATCTCGAGTGGAGTCAT
TTTAGTATTCCAATCACATTGGCTGAAGATGAAGATTTCAATTTGGCTTAGTAGAATTGCTGCAGCTGAACTGG
AATGGCATCCAAATGGTGTTTTTTGGCTGATATCTGGTTAGCTGACTGAGTTGATGCTTTTCAAAGTATGTATG
GTATACTTTCTCACTTCAGCATATCTTATGTA

>trans_s_501 BT008348|Arabidopsis thaliana At1g16520 mRNA, complete cds

TGCGTCAATTAATTGATCCATCGCAAGATATTCGTTTCGTAGAAAATTTACGTTTTTGGTAAGCCCTAATTTTC
CTCTTCGGATTCTTGTCTGTCTAATTCCTGCTGTTGAATCCTCTACCTACCACCTCTCTGTCTGTAATCTTGGAGA
TAGATCGAGTATGTCGCAAAGCAGTGGGCCTGATTCAATCTACCGGATGAGATTTTGGCGGTGATTCCAACG
GATCCATATGATCAGCTCGATCTTGCGCGTAAAATCACCTCCATGGCGATTGCCTCTCGTGTGTCGAATCTTGA
AGCTGAAATGATAAGGATGAAGCAAAAGCTTAAAGAGAAGGAAAAAACTATTTATGACCTGCAGGAGAAGA
TGTCTCACCTCGAGCACGCGAACCAGGAAGCTGAATGTAGGTTGAAGATTGCGCTTGATGATAATACGAGGC
TTTCCAGGGAACGCGATTCTCTATCAATGACTTCAAAGAACTTGGGCGTGATTTAGCAAAGCTGGAGACATT
TAAGAGACAACCTATGCTATCATTGAGTGATGAATCCTCTCAAAGTAACTGTTGATATTGGAACCTGTGATC
AAGCAGTTCCTAAAGCATATACTGACAAGGATGAGGTAATAATGGACACACCACGCATTCATTCAGTGGTTC
TACAGAGACGAGAAGCACAATAGTTGAAGGAAAGCATATTGGACAAAGATTTTCATCGCCGTATATCACCCCA
AGGCTCACTCCATCGGCAACTCCAAAAATTATTTCAACAGTGTATCCCCCAGAGGGTATTCCACTGTTGCTTC
TCCACAGATAACGTCTGGTTCAACTTCCCCAACAAAACACTCATACGATGGACGAATTGCACTATCTCCATGGT
ACCCATCAAGCCAGCAGTCTTCAGCAGCAAGTTCTCCTCCTCGTTCTCGTCAACTGTCTGGTCGCCCTGCCCGG
GTGGATGGCAAGGAGTTTTTTCGCCTAGCCAGGAGTCGTCTGTCATTAGAGCAGTTTAGTGCCTTCCTTTTGA
CATAAAGGAACTCAATGCTCATAAGCAGACTAGAGAGGAACTTTAAGAAAAGCAGAAGAGATATTTGGGAC
AGATAACAAAGATCTTTTTCTGTCATTTCAAGGATTGGTTAACCGCAATGTTCACTAGGCCTCTCTCTACTTGAG
ACTGTTTAGTTACACAGGATCGCTTCTTTAGATTATTAGAATCCAAAATGTTTATTCTCAACGGCTGTCTTGC
TCTCTGGAAGCGCATGTATGCTGCATGCAGACCCACTATGTTGTAAAATATAAAAAATCAAACCCTCTTGA
GTTGAAACTTCTTTGTCT

>trans_s_502 NM_001053124|Oryza sativa Japonica Group Os02g0290300 (Os02g0290300)
mRNA, complete cds

GTGGAATTCATGCTTCACTTACTTCGTTAATTCCTACCAGTGCTAGCCAAAGCAGAGTTGGTAGGAGATCTAGT
TCAAGACACCGTTCTATGCGTTCTCGTGTGCCTGTGCCTGTGAGTGGTTCAGATGAAGGTGGTAGTATGAGTA
ACTCAATTCCTGATGAAAGTGATCCACAGCCTATTGTGAGTAGAATTCAATCTGAGCTTGCTGCCTCTTTGGCA
GCTGTAGCAGCTGCTGAGTTGCCTTGACTGTGAACTCAGGATATGGTCACATGATGTTAAAAATCCTTGTG
CTCCACTGGATGATGAAAGATGTCGGTTAATAATTCCGCATGCTGTTCTTTGTAGTGAAATGGGTGCCCACTTT
TCACCTTGTTGGGAGATTTTTTGGCAGCATGTGTGGCATGCATGTTGCCACATATGGAAGCTGATCCGGGATTCC
AAAGCCATGCTAATAGTGATGCAACTGGTGCTGCAACATCACCTACACGACACCCAATTTCTGCTCAGCAAGT
CATGTATGAGCTTCGGATATACTCTTTGGAGGAGGCAACGTTTCGGCGTGGTACTAGCATCTCGAGCCATAAGA
GCTGCCCATTTGTCTAACATCTATACAGTTCTCTCCACATCAGAACATCTATTACTTGCTTACGGCCGCCGACAT
AGTTCACTTCTTAAGAGTGTTGTTGTAGATGGAGAGACAACTGTGCCCATATACACTATACTTGAGGTTTACAG
AGTTTCTAACATGGAACCTGTGAGGGTTCTTCCAAGTGCCGAGGATGAGGTAAATGTGGCATGCTTTCATCCC
TCCGTGGGAGGTGGTGTAGTCTACGGGACTAAGGAGGGGAAGTTGAGAATCCTCCAATACGACAGTTCCCAA
GCCATTAATCATTCAACGTATGGTTTTCTCGATGAAAATATGCTTGAGGTTCCAACGTATGCCCTAGAATGCTA
GTAATTGTCGATCATAACATGAGATTGACGCGAGCTTGACTGGGTGGATGTGCTTGCCTGTGCTTTTCAATTA
GGCTCAGAGCAAAGCTGAACAGATCGATCCATCTTTACTCAGTATTACTGCAATCTACCAGAGGCATGTCA
AAATTCAGTTTGGCGCACCATTTGTTGTACAAGCTTGATTTTTCTGTTTGTAAATTTAAAAACTGTTATAGTGCTT
ACTCAATTTGATCTTTACCTGGAATTACATATACAGATATTAAGAAAAAAGAAAAAAGCAAAAT
TTCAAGGTCGTGATTATTGTATGTGCTTTGTTTTGTCTTTAATTCAGACTTTTGATTAAATTTGAAAAA
AAAAA

>trans_s_503 AY026759|Arabidopsis thaliana protein kinase AtSIK mRNA, complete cds

ATATGAAGAAATATCTGCTGCTCGCCATAATTTTTCTGCTGAATCTTGTGTTTCAGAAAGTCTATCTTCTTTAAT
ATATAGGGCTTCTTTTGGAGATGACACTTCAACTTCAAAGAAGTTTGAAGCCACTATTACTTTCCGTCATCCATC
CAATCAGGGTTTTAGGGAATTTGTTTCTGAGGTTAGTACTCTGACATCTTTGCAACATCCAAACCTCTGTAAATT
GCTTGGCTTTTCATGCCACGAGGGTTTCGGGGCAGAGAATGCTAGTGACGAGAGGCTCTTTTCATGGAAGCTT
AGATCGTCTATTGTATGGGAGGTCAGATGGGCCACCTATTGACTGGAATACAAGAATAAAGATTGCATTATGT
GCTGCACAAGGTCTGACTTTCTTGCATGAAGAAGGACCTTTTCAGGCAATGTACAACGAATTTTCGACTGCCA
ACATACAGATTGACAAGGATTTTGTAGTGCTAAGCTTTCTGGATATGGTTGTGTTGGACAAATTCCTACAACCGAA
ACAGAGATCTCTAACAATTCAGTGGGATCGGCATATCTGTCAATGGAGACTTTGGAGAGGGGGCTGCTTACTC
CGAAGAGCAACGTTTGGAGTTTCGGAATTGTTCTTCTAGAATTGCTAACCGCACGAAGAAATCTTGATTCCCGT
TACCCAAAAGAAGAGAGGAACTTAGTTAAGTGGAGCAGACCGTTCCTAGCAGATGATGGTCGATTGTCGTTG
ATCATGGATCCTCAATTAAGGCCGTTTCCCGACCAAGGCAGCCAGGACAGTGGCTGACATTGCTCAAAAAT
GTCTTCAGAAGGATCCCTCAGAAAGACCCACAATGAGAAATGTAGTTGAGCATCTGAAAATCATCCAAAATCT
AAAGCAATCTAGCCGATTCCCTCTACAAGAACCCATTGCCGCATCCCCTGCAAAACAGATGCTAAGATCACCAA
GCCTTGATGGGATCATTACACCAGCAGCAGCCAGATTAAGTTTCTCACCTTCTCCACCTTCTGGAATCCACCCA
TCCCTTTCACCTGGAGGGAAAAATTCCTCTCTACACTCCACCCCGTTATGCTCGACCCTCTCCTTCGAGGAT
TTCGATAGACAAGAAAGGCGAAAAATCATCCGCATCAGCCCTTGAAGACCTCGAATCGAAGGATACTGATATT
CTAAATTTATACTATTTGTTTATTATTTATTAACCTTTTCTTCTTTGTTTTCTTCTATGGTCTTTTGGTGATTGATTC
AACACAATGTACAGCAGATGGAAGAGAAAAAACCCACCATAAATATATGCTTATTTTTGAGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_504 XM_002314590|Populus trichocarpa aminophospholipid ATPase, mRNA

TATGGCTAGTGATTTTGCCATTGCCAGTTTCGTTTTCTCACAGATTTACTTCTTGTGCATGGACGATGGTCATA
TCTTCGAATATGCAAGGTTGTACATACTTCTTTACAAGAATCTTACGTTCACTTTAACTCAGTTTTGGTTACC
TTCCAAACTGGATTTTCTGTCAAAGATTTTACGACGATTGGTTCCAGTCATTGTATAATGTCATATTCACCGCGC
TACCTGTAATAATTGTTGGACTATTTGACAAGGATGTCAGTGCTTCCCTTCCAAAAAGTACCCTGAACCTCTAC
AGAGAGGGAATAAGAAATGTGTTTTCAAGTGGAGAGTTGTGACAACTGGGCTTTCTTTCCATCTACCAAT
CTTTAGTCTTTTACTATTTTGTAAACCGCTTCTAGTTCCAGTAGTCAATCGTCATCAGGCAAGGTGTTTGGTCTGT
GGGATATCAGCACGATGACTTTCACCTGCGTTGTCGTGACTGTGAATTTGCGGCTGCTTATGATCTGTAATTCA
ATTACTCGGTGGCACTACATTACGGTTGGGGGAAGCATTTTAGCATGGTTCCTATTTATTTTCTTATATTCCGGT
ATTATGACACCACATGATAGGCAGGAAAAATGTATATTTTCGTCATATATGTCTTAATGAGTACATTATATTTTAC
GTAGCTGTTATCCTCGTTCCCGTTGTTGCACTTCTTTGTGATTTTCGCTTACCAAGGCCTTCAGAGATGGTTTTTC
CCCTACGATTATCAGATAGTACAAGAAATACATAGACATGAACCCGAAGGTAGAGGTACTGCAGGATTGCTT
GAAATTCAAAACCATCTTACGCCGGAAGAGGCAAGAAGCTACGCCATGTCTCAACTCCCTCGAGAATTATCAA
AGCATACTGGCTTTGCTTTGCACTCACCTGGCTACGAGTCATTTTTTTCGGGCACAGCTTGGTATTTATGCCCCAC
AGAAGGCATGGGATGTTGCTAGGAGAGCCAGTGTGAAGTCAAGACCAAAGATTAGGGAAAAGAAGTAAGGT
AGATTTGATCATTATTGTACAAAATTTTTCATATCAAAGATGAACCTCAGAAAAATCATTAGTGTTAGATTTTC
TGTGCCATATTTAGCATTTGATTTTGCAGCATCATACATTTGGTTCTCTCTCCCCATTAGTTGCTTTCTTTT
CCTTCTGAGAGACTAGTGGTTATTAGGAATGTAATGGGTATATATATTGATATGTCGATGTAATTTTACTACCA
AATGAAGTTGTAATTTTTTACTGGTTGGGTTCTAGCTAACCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_505 XM_002320653|Populus trichocarpa porin/voltage-dependent anion-selective
channel protein, mRNA

ATTGCGAGGGTTTTTTGAAATTCCCCCTCATCGTGTA AAAACCCTCATTTCTTGTAAGAACCCGGAAATTTCCC
TTCAAATCTTTAAACCCTAAGACCTGCAAGATGGCCGGA AAAAGGTCCCGAACTCTTCTCCGACATAGGCAAGA
AAGCTAGAGACTTGCTTTTGAAGGATTATAGCAATGAACAGAAGTTTACCGTCGCTTCTTTTCCGACATTGGA
GTGGGTCTCAACTCAACTGTGACCAAACGGGGAGGTCTTTACTCAGGGGATGTGGCAGCACAAATACAAGCAA
AAGAATGCTGTTCTTCATTTAAAATTTGACACAGAATCAAATATCTCCTCAGTCCTCACAGTTACTGATATTCTG
CCATCCACACATGTCATTGCTTCACTGAGACTCCCAAATTACAACCTCTGGCAAGTTGGAGGCTCAATATTTCCA
TGAGCATGCTACATTTACTACAGCCTTTGCTTTGGACAAGTCTCCTTCAGTTGATATTTAGCGACCATTTGGGA
CACCCACATTGCTTTTGGAGCTGAAGCTAGTTTTTAAACAAATTCTGGTTATTTTGCAAAATATAATGCTGGG
GTGAGCGTAACAAAGGCAGATTCCAATGCATCGGCAATATTGGCTGATAAAGGAGACTCTCTAAGAGTGGCA
TATTTGCACCTTTTGAACAGTTGAATGGGGGAGCTGTTGTGGGAGAAATCAGCAGAAAGTTCTCTACCAATG
AGAATACATTGACGGTGGGATGTTTCATATGTGCTCAACTCTCAAACAGCTGTGAAAGCAAAACTTAACAACCA
TGGCAATCTCGGGGCTCTTTTGACAGCATCAGCTGACACAAAAGTCTTTCCTAACTATATCTGGTGCCTTTCACA
CCAATGCTTTGACAAATTATCCCAAGTTTGATTGACGCTACTTTTGAAGCCTTGAAATATCAAAAGGATTTAGA
CGGGGCTGAAGCTCAAACATTAGTAAGCTACCATCTGTTTGTGTTGTCTTTCAGAATATAAAACATCTTCAGTA
GTCATAGAATTCTTTTGTCTCATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAATTTGCTTTGCTTGGGCAAAAATTTAAAGGA
ATCCTGAAAATTTTGA AAAAATTTCCCTTCCCACACATTCCATTGGGGAAAAA AAAAAAATTTGGAATGGAAAA
GGAATTCATCCTTGGAATTGTTACCACCAAATGGTTGGCCTGATGGAATAAGGAAAAA AAAAAA AAAAAA
AAAAA AAAAAA AAAAAA AAAAAA AAAAAA AAAAAA AAAAAA AAAAAA AAAAAA AAAAAA AAAAAA AAAAAA
TATCCCTGCCCCCAACCCCC

>trans_s_506 AF419585|Arabidopsis thaliana AT5g14250/F18O22_40 mRNA, complete cds

GACTTGACAAGAAAGAAAGAAAGGAGTGATCGATTTGATCGAATATTTCTCCTCTCAAAGTTACTCTTACGA
GCCACTGTTTCAGCTCCAGCTTCGCATTCCCCCACCATGGGCACGGTTGAAGTTCTTGTTGCACAAATCCAAGG
CTTGTCGACTACCGCCGCGCATATCTCACGCCTCCATACTCTTCTCAAGCAATCAGAAGAACTACTTCACGCCG
AAACCTCTCGTTTACCTTCCGCACTAGCTCAACTTGATGCTTCCAACATTCTTTAGCATATCTCTACATTCTAGA
GGCATGCACTTCTGTACCAATTTACAAGAGCAATCCAGTTCAATTCTTCTAACGATTTCAGATTTATCTCTTC
TTGCAACCCTGAGCAGATTTCGTTTAGCACCTGAAAAATTTGTCTCTGTTTGCAAGAGGTTTTAAAGATCAAGTTA
TACAAGAGGCTCCAATTAGAGGGGTGGCTCCACTTCTTACTGCTGTTAGAAAATCCAGACCTCTTCAGAACAT
TTAACCACCTTACATCCGGAGTTTCTTCTCTGCTTATCAGCCAAATCCTACAAAATGGCAGATCCATATTA
GATAATGATATTCTCGAGGTTGATCAACCAAGAGACCTGTTTCTTTATTGTTATTATGGGGGGATGATATGCAT
AGGACTAAAGTTATTTAGAAAAGCACTTGAGCTTCTTCATAATGTTGTAAGTCTCAATGCAATCAATGAATG
CTATAGCTGTTGAAGCATACAAAAATACATTTTAGTCTCTCTCATTTATAATGGACAATTTTCTACCAGTCTCC
CAAAGTATACTTCTTCAGTAGCACAGAGAAATTTAAAAAATCTCTGTCTAGCCCTACATTGAATTGGCAAATAGT
TATAGCACAGGAAATGTGGAGGAATTAGACACCGTTTTTCAAACAAACAGGCAGAAATTTGAAAGTGACAAC
AATCTTGACTTGTAAGCAGGCTGTATCTTCTATGTACAAGCGCAACATTCAGAGATTGACACAGACGTAATT
GACCTCTCTCTTCAAGATATAGCCAGCACTGTTAACTCAACAGCCCTAAGGAAGCTGAAATGCATGTCCTAC
AAATGATCCAGGATGGTGAGATCTTTGCAACAATTAATCAGAAGGATGGAATGGTTAGATTTCTAGAGGATTC
TGAACAGTACAAATCATGCAGGATGATTGAGCATATCGACTCTTCTATTAGAGGATCATGACACTTTCTAAGA
AATTGACTGCTATGGATGAAAATATATCCTCTGATCCTCTATATCTAGCATAGGCTGGAAGATAGAGGCAGAG
ATTTGATTACG

>trans_s_507 XM_002326149|Populus trichocarpa EIN2 -like protein, nramp transporter, mRNA

TTTTCCAACATCAAAGTATCCAGGAAACCTTCTTCCGAATCTGAAAGGCAATATTATGATCTTTCTCCTTCTGGA
ACTGGTGAGAATTTAGTGAGTGTATCTAACACAAAGAAATACCATAGCTTGCCGGATATTCACCGTGATCAGC

ACACATCAGATAAGAGTTCTCAGTGGGATAATGCAACTGTTTATGGAACATCAATTGGTAAAATAACAGCTCG
TGGAGTGTCTTTGCAAATCTGGATCAAGATCAGTCGCTCCTTAGCATTTGATGAACTATCTCCTGCAAATG
TCTACAGTGGTGCAATTATCAACACAAATGAATCCTCATTTGGATTCTGGATCTTTCTGGCATAGACAGCCTTCT
GAGCAATTTGGCTTGATAAAAATAGCAACTCCGAGAGTAAAGGAATTGGGAGGCTGCATTCAATTAGTCAA
GAAGCTCTTTCTGTGTTAATTCAGAGGCCAGGCTTCTCCAGTCTTCAGAGACTGCATTGTCAAACCTCTTAA
ATTGGAAGGATCAGACTGGTTATTTGGGCAAAGTGATGGTACTGACGAGGAACTAATTGACTGTGTAGCTGC
CAGGGAGAAATTTCTTTATGAAGCTGAGGCAAGGGAGATGGGTCTGGGTGGTCCGTATGAAAGAATCTCCTTC
ATTTTCTCCTGATAGGAGACCAGGTTCTGGAATGAAGAACGATACAAATTTCTCCAACGTTTCTATATCCTCTG
TACCTCATTGTGGAGAAGGTTGTATTTGGAGATCAGATCTGATTGTAAGTTTTGGTGTATGGTGCATTCACCG
AATTCTGGATCTCTCACTTATGGAAAGTCGGCCTGAACTGTGGGGAAAATATACCTATGTACTCAATCGTCTTC
AGGGTATTATCGATCCTGCATTTTCGAAGCCTCGTGTACCAATGCCGCCATGCTTCTGCCTTCAAATTCCCAA
GCATTCCAGCAGAGGTCAAGCCCACAAATTGCAACGGAATGTTGCCTCCTGCTGCAAAACCTGGCAAGGGA
AAATGCACCACTGCGGCAATGCTTCTGGATATGGTCAAGGATGTGGAGATAGCCATCTCTTGCCGAAAAGGC
CGAACTGGTACAGCTGCCGGTGACGTAGCTTTCCCAAAGGGGAAGGAGAACTTGGCTTCAGTCCTCAAACGC
TACAAGCGTCGATTATCCAATAAACAGTTGCCACTCACGAAGTATCATCTATCTCACGCAAGCTTTCAGCAAC
ATCCGTTCTTATAGCTCATAGTATTTACCCAAAATGGTGATCAAATCACCCAGCTGTTTAATTTTGAAAGC
AGCTCATGGTTCCGAACGAGAATGC

>trans_s_508 GQ377248|Populus trichocarpa theta class glutathione transferase GSTT1 mRNA,
complete cds

TGATTAACAAAATATTAATAATACTTAAAGTCCATAGCACTACTTTTCTTGCCTTCTTGTTGAAGGTTTAATC
CTATTGAAAAAATAGATAATAATAGTGAAATGAAAATGAAGATTAATGTGTGAATTGAAAGCAGGGATGACA
AAGATCTGATCCAAACATCATCTAAATCCAATCCTATCGCATTTGGGAAGCGCGCCGAGAAGAAAGTCTCAAT
CTTGAATTCAGTAGGATCATCATCCTCATTCTAAGACTCATTTCTGTACGCAATCTTCGACAAATCGGAAATA
TGGCGCTTAAAGTCTATGCAGATCGATTGTCACAGCCATCTCGCGCCGTCCTCATCTTCTGCAAGGTTAATGGG
ATTGCTTTTGAGGAGGTGAAGGTAGCCTTGTCCAAATTGGAACACCTTACTCCTGAATTCAAAGAGATCAACCC
AATGGTAAAGGTTCCCGTCATTGTTGATGGAAGATTTAAGCTGTTTCGAGAGTCATGCTATTCTTATCTACCTTT
CTTGTGCGTTTCTGGTGTGGCAGATCACTGGTATCCATCTGATCTTTTCAGGAGGGCTAAAATACATTCAGTA
TTGGATTGGCATCATTCTAATTTACGTAGTGGTGCAGCTCCATTAATATTCAATACTGTTCTAGCACCTTTGTTT
GGCCGTCCTCTGAATCCTCAAGTAGCTGCTGAAGCTGAGAAGATTTATTCAAGTCGCTTTCAAAAATTGAGTC
ATTTTGGCTGAAGGGGAATGGGAAATTTTGTAGGTGGCTTTAAACCATCCATAGCTGATCTTAGCCTGGTTT
GTGAAATTATGCACTAGAGCTTTTGGACGAGAAGGATCGGAGTCGTATTCTGGGTCCACACCTGAAAGTGA
GGGAGTGGGTTGAGAATACTAGAAATGCTACAAACCCACATTTTGATGAGTTTCATAAGGTTCTTCTGAAGCT
CAAGGAAACCTCCAAAAGCAGCGCTCACTGAAATTGACTTCAAAGATTTGAAGTTTCTTTGACACCCAACCGT
TGTTGGATTTTAGACAGGTTGTCTCATGAAATTAGTTAATTTGCGTATAAGCTGACTCAGATACTCACGGATAT
AAAAAAAAAACAAGTGAAGTTTATAGTGTCTGCCTTGTTAATGCAATAGAATAAATGTCATGAAAGGGAA
GGTGTGAAGAATGAGTATCAATGTAAGTAATCCATTGCGTGACTTTTGATATATGGGTAAGAACTTGGTTTAT
CCAAAAGTCCACAATTTCAATCGTAGATTATACTCATTTTGTACATCTTCAATTATTCGAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_509 HM122650|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR9)
mRNA, complete cds

CTTCTTCATATCCGCCACGTTTCCTTCTCCACTTGTATGCTTTTCCAAAACCTTTCTCCGTCGCCGTTTCCGCCT
CCTTCATCGTCTTGTCTCCACCTGATCATGCGGAGCACCTCTTCTTGTCAACGAATCCGCCGCCGCCGAGA

CCGGTGGCGGCAGTCCAGGTGAGATCATGCTGTTTGGTGTGAGAGTGGTGGTGGATTGATGAGGAAGAGT
GTGAGTTTGAACAATCTGTCTCAGTATGAACAACCTCATGATGCCACCGATGTAATCGCAAACGACAATTATA
AGAACGACCTTGTTTCCGTCAATAACAAAGACGATGTTGCCGCTGGTTATGCTTCTGCGGACGATGCTGTTCCC
AACGCCCGAGGGAACCGCGAACGTGAACGCAAGCGAGGTGTGCCTTGGACTGAGGAAGAACAACAAGCTGTT
TTTAATTGGACTACAACAAGTAGGAAAGGGGGATTGGAGAGGAATCTCTAGGAACTTTGTTAAGACTCGCAC
TCCAACTCAGGTCGCTAGCCATGCTCAGAAGTACTTTCTCCGCCGGAGCAATCTTAATCGCCGTCGCCGTAGAT
CTAGTCTTTTTCGATATCACGACGGACACGGTCACGGCTGCTCCAATGGTTGAAGAACCCTGCAGCGTAAAGA
AATTCCCTCTCAATCCCATTCCTTTACTCCATCAACCTTACCTGAAATTTCTAAAAACAAGGCAATCCCAATAAT
ACAAACTTTGCCAGTTTCATTTGGGCCAACACCATTAGCCACCCCGATCAAGAATCTAATGGAAAACTGTGGTC
CTAGAGAAGTAAACACACAAAATGATGGATCACTAAAGCTCGCCCCCCCCGATTCCAAAATTTCTCTAATCAA
ATACGACATGAATCATCATCAGCAGCAGCTTTATCCCTTCGCCTCTCCTTAACACCTGACCAAAGAGAACTTC
ATCAAGACATTCAACTTTCCAATCCATCCCAAGTTTCAATAATGGTGATGGGATCATAAGTGCTGCATAATGAA
AGGAAGTTATTAACAATTAGAGACGACAGAAGTTATTAGGTGACTGAATCTGATCCAATCATGTTTCTTGATG
GCATCTATGTAAATCTAGATTCTTCTTGATGATTTGCTGTTGTTGTCGGTAGCTGGGTACTGACTGAAAATAA
TGAATGACTAACTATTCTGTCTGTGTTAGAAATGAATTTAGTTTGAAGGAAAGAATATCCAAGTTGGATAA
AATGGGTGGTTGTTGTTGTTGCTGCGATATTGTGAAAAGAAAAGGGAGGGGGGGAAAAAGAGGCCAAAATTC
CCCCTTGTTTTGTGTATGT

>trans_s_510 AY105607|Zea mays PCO107138 mRNA sequence

ACTTTTAAATTTAATCACTTTCTTAAATATTACTATCTGGATCCACACAATCACCATTCTTAGAACAGTTTCGAGA
CGGGCAAATGAAGGCTTCTCTACTTTTTCTTCTTGCTTGGATGCACTTTAATTTACGCAAAGACGACTAAGG
ATGTGACTGAGTTACAGATTGGTGTGACGGGTAGGCCAGCATCATGTGACATTCAAGCTCACAAAGGTGATA
GAATCAAGGTTCACTACCGTGGAAGCTCACTGATGGGACTGTTTTCGACTCTAGTTTTGAACGGGGTGACCC
CATTGAGTTTGAGCTAGGCGCTGGTCAAGTAATTAAGGATGGGACCAAGGGTTACTGGGGATGTGCGTTGG
TGAGAAACGGAACCTGAAAATTCCTGCAAAGTTGGGATATGGACCCCAAGGCTCTCCACCAACCATAACAGGT
GGTGCAACACTCATTTTTGACACTGAGCTTGTTTCTGTTAATGGGAAACCATCAAGTGGTGGAACCTCAAATG
ATGTTGATGACAGTGAGCTATAGTCAAAGCAACCATTCTACCACTTTCCCCTTTGGGTTTCTTAGATTTACTGAT
TACCTTATCCATGAAACCTATTAACTTTTAGTTATGGACATTTATGGCAAAAAGGTCTGGTTATGACCTAAGTTT
CCTCTATATTGAATTATAGAGATACTTGGGCAATTTTTCTCTCCAAGTTTTATATCTTCCGTTTGGAIAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCCCCCAAAAACTAAACAAAACCCCCAACCCCAAGG
GGGGGCCCCGAACCAATTCCCCCAAAAAGGAGTCGAAATACCCGCCCTCACTGGCCGCCTTTTTAAACCCC
GGGACGGGAAAAACCTGGGGTTACCCAACCTTAATCCCCTTGCAACAAATCCCCCTTCCCCAACGGGGGAAA
AAAAAAAAAAGCCCCCCCCAATCCCCCTTCCCAAAAATTGCCACCCCGAAAGGCAAAAGGGACCCCCCTGG
AACGGCCCAATAAACCCGGCGGGGGGGGGGTTACCCCAACGGGACCCCTAACTTGCCAGCCCCCAACC
CCCCCCCCCTTTCTTTCTTCCCTTCTTTCTCCCCACGTTGCGCGGGTTTCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGC
CCCCTTTAAGGTTCCAAATTAGGGCTTACCGCACCCCCACCCCAAAAACCTTGAAAAAGGGGAAGGTTCCCG
TAAGGGGCCATCCCCCTGAAA

>trans_s_511 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete cds

GTTATCATTAGTGCCGTGTTGACCAGCAGAGCTATCTTCAAAGGATGAAGAACTATACTATTTATGCAGTCTC
CATCACTATCCGTATTGTGTTTGGTTTCATGTTGATTGCTCTCATTTGGAGATTTGATTTCTCTCCCTTCATGGTT
TTGATTATTGCCATCTGAATGATGGTACAATTATGACAATCTCAAAGGACAGGGTGAAGCCATCTCCATTACC

TGACAGTTGGAACTAAAGGAGATTTTCGCAACCGGAATAGTACTTGGTGGGTACTTGGCTTTGATGACGGTT
ATATTCTTTTGGTTAATGGACGGAACCAACTTCTTTTCGGATAAATTCGGTGTTAGATCCATCCGTCATAATGTA
GATGAGATGATGGCTGCTTTGTACCTGCAAGTCAGTATTGTCAGCCAGGCTTTGATTTTGTACTAGATCGCG
TGGCTGGTCGTATGCTGAGCGACCTGGACTTCTGTTGGTCGGTGCTTCTTGATTGCACAGCTGGTTGCACACT
TGATCGCAGTATATGCGAACTGGGGATTTGCAAAGATCAAGGGAATCGGATGGGGATGGGCCGGTGTCATCT
GGCTTTACAGCATTGTTTTCTATATTCCACTCGATATCATGAAGTTTGCTATTCGTTACATATTGAGCGGAAAG
GCATGGCTCAACTTGTTAGAAAACAAGACTGCTTTCACCACCAAGAAAGACTACGGAAAAGAGGAAAGAGAA
GCACAATGGGCCCTTGCTCAAAGAACATTACATGGACTTCAACCACCCGAGTCAACAAACATCTTCTCCGAAA
AGAGCAGCTACAGAGAAGCTCTCTGAGATTGCCGAGCAAGCTAAGAGACGTGCCGAGATTGCAAGGCTCCGG
GAGCTGAACACACTCAAGGGACACGTCGAGTCCGTGGTGAAGTTGAAGGGACTCGACATTGACACCATTGAG
CAGCACTACACAGTGTGAGAAAAGTATTATTGCTTCCTCATATAAAATGAGAGATTAGCGAAATTGTGATTTT
ACTTTGCTGTGCCAAGGAAAGAAAAAGAGAAGTGTGAGAAAGAGACAACAAACAAACATTAAAAA
AAAAAAGAAAAAACAAGAAGAGGAAGTTGCTAATTTGCCAAACATTCCAACATACAGAGAGATTGTG
TGGTGCCCTTTCCTTGTAAATTTTCTAGTTTTTCTTACTCTTTTCTCCATATGTATTTGCAATGTTAGTAA
GATAAAGAATTCTGTTTGGCTTTGACAAAAAAGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_512 AB049590|Avicennia marina chpa mRNA for chaperonin-60 alpha subunit, complete cds

CTGAAAGAATTGCCAAATTATCTGGTGGTGTTGCCGTCATTAAGGTAGGAGCTGCCACGGAGACCGAACTTG
AAGACAGGAAGCTCCGTATTGAAGATGCAAAGAATGCAACTTTCGCTGCCATAGAGGAAGGGATTGTCCCTG
GTGGTGGTGCTGCTCTGGTCCATCTCTCAACCCTAGTTCCTGCAATCAAGGACAAGCTTGAAGATGCAGAAGA
GAAGCTAGGTGCCGATATCGTCCAAAGGCATTGGTAGCACCAGCATCCTTAATTGCCCAAATGCTGGAATT
GAAGGGGAAGTAGTAGTGAGAGAAGATTAAGTCGAGTGACTGGGAAATCGGTTACAATGCAATGACAGACAA
GTACGAGAATCTAGTGGAGGCCGGTGTTATTGACCCAGCCAAGGTCACCAGATGTGCCTTGAGAATGCTGC
TTCAGTTGCTGGAATGGTCTTAACCACACAGGCCATTGTAGTTGAAAAGCCCAAACCAAGGCACCCGTCGCT
GCTCCACAAGGCCTTACCATTTAATTTCTGAGAATTCTCATCTTCTTTGTAGGACGTTAAGATAGTCATCATC
AACACTAGCTTCTGGCGGTAAGGCGCACATTATCGGAAACAGCGAGACAATAACAAAGATGATGGTAACAC
TCTGTTATGTGAATGTGCTTTTTTGTAAAGGCTTTCTCAACTTTCGTTAGATATTTGTAAGATTACCGAATCAATT
GGATCAACTTTTACGAGTTTTATTGAAAAAGAAATAATTTTGGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCAAACTTTATCAAACCCCCAACCCCGGGGGGGGCC
CCGGACCCCATTTCCCCAAAGGGGGCCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACGCCGGGAGG
GGAAACCCCGGGTTTCCCAATTAATCCCTTGAAACAAACCCCCCTTCCCGGTTGGGGAAAAA
AAAGGCCCCCCTTCCCCCTCCCCAAATTTGCCCCCGAAAGGGGAAAGGGGCCCCCCTGAAGCGCC
CCATAAACCGGGGGGGGGGGGGGGTTACCCCAGGGGGACCCACCCTTTCGCGCCCCAACGCCCCC
CTTTCTTTTTTCCCTTCTTTCCCCCAGTTCGCGGGTTTCCCCGCAAAGTTTAAACGGGGGCCCTT
TGGGTCCGAATTAAGGTTTTTACGGCCCC

>trans_s_513 NM_001073247|Oryza sativa Japonica Group Os12g0446700 (Os12g0446700)
mRNA, complete cds

AAAAATAAAGAAGGAAAATTTCTTAGAAGAACAGTATGGTTAGAAAACCTTCGCTTTGAATTCTGCCAGAAA
CGATGACTTCGTGTAATTCAGAAAAGTTAGGGTTTATTCCGCGATCTATCACCGACCCGAACCTCACCATACCC
AATTGCCATGAATTGCGAAGTATGCCAACTCAAAGAACTGGAAGTTGAGCAGTTCGAGATACGCGAAGTTCT

GCGCTGTATACTACACACAATTGTATTTACCGAGCTTTAGGTCTTGTTTCGGCCCAGAGACATTGATTTGGAGC
TTTTTGATATTACTTATGTGCAATGTGGAGACATTGAAGTTGAGAAGAAGATCGATGAGAAGATTGAGCAGTT
CATTAAATGGGTAGAGAAACACCCAAACAAGAAAAGCCAGATATGTTTATCCTTTTATCAAGAGAAAAATAAA
CAGGCCTCTTGGTTCACTAACAAAATTGAACGCTTTTATTGGGAACAATGGTATATCAATTTGCATGTGGCCCA
ACACATAAAAAATACATTCTGGCAAGACTACCAACAGAAAAATTCTAGTTGATCCTGGAGAGAGTGGATTGGAT
GAGAGAAGCATCCGCAGGACGACACTGGAAGCTTCTCTTCGTGAGGTGTTGTTTCAAGTAATAAAGTTTGTGA
ATGAAAAGAAGGATCATGTTCTGCTATACCAAGTCCAGATTGTGGTGTGTTATTTTCCCCTATGAAATAACA
ATTCCTAGTTCATCAGATTCTGCATTTGGAATGGACATGATCAAGAGGATGTTGCAAACCTGGACACCCCACTAT
GCTCAGCTGATTATCAGAATTCTGGAGCCTATACCAAGAATGTTCCACATCTTGTCTTTATAGAAGGTTCCATTT
CTTTTATATGATCTCTATGGCATATTTAGAGTCATTTGAAAAAGGATTGAATATTGGCGGAGTCGAGGAAAAT
ATCTGATTTTCCCAACACAATCCTCTATCCATATTCCTCTGATTTTCCCAACACAATCCTCTATCCATATTAACACT
CTATCCTCTATTTGCGGTTCTTTTACACTATCCATTGTGAATATTGACACTAATCAATGTATATACACACATTCA
ATGTTTCATATTGTTAGTTACTAACCTTAAGATTGTGGAGCAAACAGGGGTTTGTAGTAACTAGAAATCATCATT
GGTGTGTGTATAGATCCTCCTGACTTTTATAAGTTTGTGCCTATCTAGTTTATGTATTATAAACACTTAATCTTG
TGTTAGAAATAATAATTAAGTATATAGCAACATTTAAAAAAATTGTAAATATAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_514 NM_001036466|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein
(AT2G45720) mRNA, complete cds

AAGTGTGATCGGGGTTCAGGCGGGACGGATTGAGAGGCAGAGTCGGTTGAAGAATGGCTGCTGCAAGCTC
AAAAGCTTGTTCTGTGGCCCTGGAGAAGGCTCTGGAGGTTAAGGTGTTTCCCGGGAGGTGGAAGATGATTG
TTTCAAAGCTTGAGCAGCTTCCATCACGGTTATCGGATTTGTGCAACCATCCTTGCTTTTCAAAGAATGTTCTTT
GCAAGGAGCAATTGCAGGCTGTTTTGAACAGCTTGAAGGAAACCGTTGAATTGGCGAAGCTTTGTGTTAGAG
AGAAATTTGAAGGCAAGCTTCGGATGCAAAGTGATCTTGACTCGTTGTCTGGGAAATTGGATTGAACTTGCG
TGATTGTGGTCTTCTGATTAAGACAGGCGTACTCGGTGAGGCTACTCTACCTCTACCTTTGTCAGGTTGTTCTG
CGCAATGGGAATCTACTGACTTTGTCAACATAAGGGAACTGCTTGCCAGGCTGCAGATAGGCCATATGGAGG
CAAAACATCGAGCTCTTGACAGCCTTGTTGAGATCATCAAAGAGGATAATGATAATGTTTTGTCCGTCTTTGGT
CGTAATAACGTTGCTGCTTTAGTCCAATTGCTCACTGCAACCTCTCCGTGTATCCGAGAGAAGACCATCAACCT
AATTTGCCTGCTAGCTGAATCAGGAAGTTGTGAAAATTGGCTTGTTTCAGAAGGTGTTTTGCCACCTCTAATCA
GACTTGTCGAGTCTGGCAGTGCTGTGGCTAAGGAAAAGGCAGTGATTTGCTGCAAAGGTTGTCAATGTCAG
CTGATACTGCCCCGTGCAATAGTTGGGCATGGTGGGGTTCGACCTCTTATTGAACTCTGCAAGACCGGTGATTC
TGTATCACAGGCTGCTGCTGCTTGACATTGAAGAACATATCAGCCGTACCTGAGGTTGACAAACTTTGGCT
GAAGAAGGGATCATAAGAGTGATGATCAGTCTCGTAGATTGTGGAATTCTGTTGGGATCGAAAGAGTATGCA
GCTGAATGCCTACAAAATCTCACTGCTTGCAATGAATCTCTAAGGAGATCGGTCATCTCTGAAGGTGGTCTTCG
CTGCATATTGGCATATCTTGATGGCCCTCTCCCTCAAGAATCTGCGGTGCGGGCATTGAGGAATTTGGTCAGC
TCAGTTTCAATGGAACCTCTGTTGTCTCTGGGCTTCCTCCCTCGTCTAGTACATGTGCTCAAGTCTGGATCAGTT
GGTGACAGCAGGCTGCAGCATCAGCAATCTGCAGGGTATGCAGCACACCAGAGATGAAGAAGCTAATAGG
TGAAGCTGAGTGCATCCCTCTCCTGA

>trans_s_515 AB544071|Ipomoea nil InATG8e mRNA for autophagy 8, complete cds

TCAAATCGACACACAATCTTTTGACAATTTCAATACTTTTACAAATCCCATTTCCAATCTTTTCTCTAACTTTCTC
CCAATTTTTCGCTTTCTTTTTGGTTTCTCGCCGAAAGTTCACTCCTGATCTCTTCTTTCTCGTCGGCGACTC
TCAGTTTTTTTGTGACTAATGTCTACGAGCTCGTTCAAGCAAGAGCATGATTTTGAAGAGAGACATGCTGAGG
CAGCCCGGATTAGAGAAAAATACCCCGACAGAATTCCGGTAATTGTGGAGAAGGCAGAGAGAAGTGATATTC

CCAACATTGACAAGAAAAAGTATCTAGTGCCTGCCGACCTGACTGTTGGCCAATTTGTTTATGTTATCCGGAAA
AGAATAAAATTGAGTGCAGAAAAGGCAATTTTCATATTCGTGGACAATGTGTTACCGCCAACAGGATCACTGA
TGTCTGCAATCTATGATGAGAGGAAGGATGAGGATGGGTTTCTCTATGTTACATACAGTGGAGAAAAACACATT
TGGATGACGTTTACCATAGTATGCAGTTTCTTGCTCCCTCTCTACTTGTATTATCCACAACCCATCGATTATTT
TCGTTGCTGTTTGTGCCAAATATGCCGTCTCGTGTCTGTAAATAAATTGTACAGTCGAAGACAATATATATGTG
TGAAAACTTCAATGCCCAAGTCATTTCAACTTGTAATCCCCTTGAATTATATCTAATGAAGTCGTAAATTGTAA
CCTTAAAGCTTCGATGACCTTGTGCGAGAATATGGACGATCAAATTGAAATTCAAGTTTATGAAAAAAAAAAAAA
AACTTTATTCGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCC
CCCCCCCCAAAAATTTTAAAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCAAAGGGGGT
AAAAAAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAAAACCCGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTCCCCCAATTTAA
CCCCTTGGAAAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGAAAAAAACCCCCCCCCATCCCCCCCCAAAA
ATTTCCACCCCAAAGGGAAAAGGGACCCCCCTTAGCCCCCAATAAACCCGGGGGGGGGGGGTTTTA
CCCAAAGGGGGGCCCTTATTTTGCGCCCCCCCTACCCCCCTTTTTTTTTTTTTCCCTTTTTTTTTCCCTGT
CCCCGTTTTT

>trans_s_516 GQ370812|Solanum lycopersicum cultivar Micro-Tom TIR1-like protein mRNA,
complete cds

TATGGCTGACTTGAGATCTGAAGTTTCGAGCTTAACTGGGGCATTTACAAGCTGCACAGAATTGAAGAGTCTG
TCAGGATTTTGGGATGTTGTCCCTGCATACCTTCCTTCTGTTTATCCAACATGCTCTCGGCTAACATCCTTAAAC
TTAAGCTATGCTACAATTCAATGTGACGATCTTACAAAGCTTATCAGTCAATGTCATAATTTACAGAAGCTTTG
GGTGCTGGACTTCATTGAGGATTCTGGCCTTGAAGCTGTTGCAGATACCTGCAAAGATCTTAGAGAATTAAGA
GTGTTTCCATCCGAACCGTATGGGCAGGAACCAATGTGTCTTTGACAGAACAGGGCCTCGTCTCTGTATCTG
AAGGTTGCCCAAAGCTCCAATCTGTTCTGTACTTTTGTGTCGTCAAATGACAAATGCTGCCTTAGTGACCATTGCC
AGGAATCGTCCAAACATGACCAGATTTCTGTCTATGTATTCTGGAGCCACGGACTCCCGATTACCTTACGGATCA
GCCACTTGATGTAGTTTTGGGGCAATTGTTGAGTATTGCAAAGATCTCCAGCGCTTTCCCTTCTGGCCTTCT
TACGGATCGATGTTTCGAATATATAGGGACTTATGGTAAAAAGCTAGAGATGTTATCTGTGGCATTTCAGGC
GATAGTGATTTAGTCTTCATCATGTGTTGTCTGGATGTGATAGTCTTCGCAAGCTGGAGATCAGGGACTGTC
CTTTTGGTGATAAAGCTCTTTTAGCCAATGCTGCAAAGCTCGAGACAATGCGATCCCTTTGGATGTCTTCTTGC
TCAGTGAGTTTTGGAGCATGCAAATTGTTAGCTCAGAAGTTTCCCAACTCAATGTGCAAGTTATAGATGAGA
GGGGTCTCCAAATACCAGGCCGAAAGTTGTCTGTGGAGAGGTTATATATATACCGAAGTGTGCTGGGC
GTCGGTTAGATATGCCTGGTTTTGTGTGGACAATGGACGGAGATGCTCCTCTAAAGCTTACTTGATTCAACTCT
CCACCAACCCAAGATGGAAACCTAGTAAGTGAAGGCTCACATAATGGGAATGGAGCTGGTAGTAGGTACAT
GCCCTACATGCTATTTACTGCTCCTAATTGTAGTTCTCTATGTCAATAACATAATTTGCAGCTCTAATTTAAATG
GAGTGAGGTACATTTTACAGAGGCAGAGGGAACTCCATTGCCATTCATTTTATACTTTGGCTGTGAGCTGT
GGGGGGATGGATAAACAAGCATTTAGTGATCAATAAAAAAGATAGCAAAGTTTCTTCTTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAGAAAAAAAAAAAA

>trans_s_517 X72730|L.esculentum (ERT 10) ripening-related mRNA

TGAGTCGATCAATCATCTTCTTCTCTGTTTCCTTCACCCCAAGTTATGGAGGACCGCCGATCTTCACCTACT
CATCTTGAGCCTTGGAATGCCTTCACGGCAAAGTGGTCATGGTCACCGGAGCCTCCTCCGGCCTCGGCCGTG
AGTTCTGTCTCGATCTTGCTAAAGCCGGTTGCAGAGTCATCGCCGCCGACGCCGAATCGATAGGCTCCAATC
TCTTTGCGACGAAATCAATTGCCTTAATGTCTCTTCATCTTCTCCCTCCCTAGAGCCATAGCTGTGAGCTCGA
TATTAGCGCCGATGGAAAAAGCATAGAGAAATCAGTCAAAATGCTTGGGAGTCCTTCGGCTTCATCGATGCC

TTAGTGAATAATGCAGGTTTTAGAGGTACTGTGAAGACTTGTCTAGAATTGTCTGAAGAGGAATGGGATCAA
GTGATGGGAACAAATCTTAAAGGTTCTTGGTTGGTATCAAAGTATGTGTGTGGTCATATGCGTGAATCGAAAC
GAGGTGGTCTGTTATCAGTATTTCTCCATTTCTGGTATTGAAAGAGGCCAACTACCTGGTGGTCTTGCTAT
GCTGCTTCAAAGGCAGGCATAAACACTTTGACAAAGGTTATGGCTCTTGAGTTAGGGCCATACAATATCAGAG
TAAATTCTATAGCGCTGGGCTTTTCAAATCTGAGATTACAGAGGGTCTCATGCAAAAAGATTGGCTAAATACT
GTAGCCTACAAAACCTACCCCTTTAAGGACATTTGGTACTTCAGATCCAGCATTAAACAACACTCATTGATATCT
GATCGACGATTCTTCTCGATATGTCTCGGGCAACATTTACATAGTTGATACTGGAGCTACATTACCTGGTTTCC
CAATTTTCTCATCTCTTTGAATATTTATGCTGCAGTTGATGATTTGCTTAGAATTGTCAGATCATCTACTTCATGA
AAATTTGAAAGGTAATTTCTTTGAACTTTACACCAATTTTGCACCCTCAGGATTCTCAATTACTTTAGAGCTACT
TTAAACAATGTTCACTTCGTTAAAAATAAAAAATAAAAAATAAAAAATTGTGTGTTAGGTGTCTTAAAGTTTG
GTGCATTATTTAATTGAAATTCATTGTCTTTTTTACCCCAATTTATTTATTTGGACTCTTTAACCTATCCCATGT
GAAGAATCATAGAAACAGAGAAGAAACGATCTAAAAACAAAATAATAAAACAATAAGATTCTTGCATATACA
ATAAAAGAAAAGCTATGAGAATATATAAACTATGTGAGCTTTGTTAATAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_518 D31737|Nicotiana tabacum mRNA for protein-serine/threonine kinase, complete
cds

AGTGGAGAGGAGTAGTCTATCTCATAGAGAATGTGAAATCAAGGGAATTCTCAACATGTCCATAGTATCTTAC
TACCTCTTTTAAAGTTCATCATTGTTGGATCAGATCTCAACTTTTTTTTATTAGACCGAATGTTCAATTTGAGCTTT
ATGAACCCGATACTATATTAGATAACATACGGTTCATCTCAAACCTAATTAACAATAAAGGAAATAGTTAGTC
TATCTTATAATATGTTAGGTCCTTTGATATACCTCCATAGGAACGTCACACGGGAGGTTAAAAACAGAAGATA
CCATGTAAAAGAATGAAATCTTAGAGACCAATACAGCATCTAACTAAAGAATAACTTTGGTCTCTCGTGACAT
AATGCATAATTATATTATATGTGACTTTGGTCATCATTCTGAATATCGGTCGCCATTTGTTACTCATAATTTATA
TGCACATGTTATAGGTTGCTGATTTTGGTCTATCAAAGGAAGAAGTTTTTGATGGCCGGAATTCAGGTCTGAA
AGGTACATACGGCTACATAGACCCGGTATACATGGCCACAAATAAGTTTACAATGAAGAGCGACATCTATAGT
TTTGGCATAATCATTTTTGAACTAATCACTGCCATTCATCCACACCAAAATTTAGTGGACTATATTAATCTTGTG
AGTTTTTCTCCATATACACAAATGTTAACCTTGAAGTGATACGGTTTTCATGATTTTGAAGTACATTCTCAG
GCTGGAATGAGCGCCGATGGGATTGATGAAATAATTGACAAACAACTAGCTGGAGAATATAGTCTTGAAGAA
GCAAGGAAGCTAGCCGAGATCGGTCATAGATGCTTGCATAACGTACCGAGAAAACGTCCTCTAATTAGCGAA
GTTTCACAGGCGATATTGAGGATAAAGCAAAGACGACTTGGGAAAGCTACTAACATGTCTCTTGCTAGCATGG
ATCTTTCAAGTGCAGTGAGTAGAATTGAGGAACAACAAGTGAATTGAGTAGAATTGCTACCGCAGTGTGAA
TCAAATGGTTTTAAATGCTTCCCCATCGAAATTTTTTAAATGCTTTCCTTTGGCCTTCGCCAATCTGGAAGGA
AAAGAAAAAAACAATGTTATATCCAAGCGCTGTTGTCCATTTTCCCTAGTAACCTCCCTAGTAACCTTAGTTACT
CGGTGAGTGATACAGTGTGTTTTGTTATATAAATATCTTATAACTTGAATCGACTCCATGCTAGCATGTGCTCTGT
CGGGCTATTTTGGATGAGTGCTCAAGTAAATTAGATATGAATGGATTTTGCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_519 HM124891|Cucumis sativus isolate Csa006756 cultivar 9110Gt TIR-NBS-LRR class
resistance protein gene, complete cds

CAGTTAAAGTTATAAAATTAATTTTCTAAACCTACAGAGTCGGAAATCGATTGAGAGCTTTTGAAAAAGTA
AAAAAGTTGGTAGTACTGGATATCCGCAATGCCACATCTCAAGAAGTAGTGATCTGGAGTATGTACCAAGTA
GCTTAAGGTGGATGAATTGGCCTCATTTTCTTTTTCATCTTGCCTTCAACCTACACAATGGATAACCTTATGG
AATTGAAATTGCCATATAGTCCATCAAACATTTTGGGAAAGCATTGATGTGTGGTGGATGCTTGAAAAAAT
TAATTTTAGAGGCTCCAAGTTTTTAGTGGAATTCCAGATTTATCTATTGCAATAAACCTCGAAGAGTTGGATC

>trans_s_520 GQ466080|Morus alba rubber elongation factor mRNA, complete cds

>trans_s_521 AY197749|Solanum tuberosum UDP-glucose 4-epimerase (StUGE45) mRNA, complete cds

ATTCGAAAACCTTACGTCCACTGATCTTCACCGATCTAACCTCTCTCTTTCTCTCTCTCTCCTAATTTTAACACTT
TTCTGTTTTCATTTTCCCCCTTTATAAAATCACCAACAAGAAAAAGAAAACAAAAAAAAAAAAAATTTGATCTTACC
GTCGTAGCTGTGGAGTTGCAAGATCGCCGTTTTCTTTGTTCAAGTAACGGTAACCTTCTCTTCAATCAATTTCTCA
TCAAGCATTATAAATTCAATTTCAATTTCCCGTGATCTCCATCCCAAGCTCTTCCCCAAAAATTCAATCCTTCACTT
CTCGTTTTCTCCCTCCGAGCATCATCACTCATGGCGAAGAGCATTTTGGTCACTGGTGGAGCTGGATACATCGG
CAGCCACACAGTTCTTCAACTTCTTCTCGGC GGTTACAACGCCGTCGTCTGTCGATAACTTGGATAACTCCTCCG

AGATCGCTATTTCGCAGAGTCAGAGATCTCGCTGGAGATTTAGGGAAGAATCTCACATTTACAAGCTTGATTT
GAGGGATAAACCAGCTCTCGAGAAGGTTTTTGTTCGACGAAATTCGATGCTGTATCCACTTTGCTGGACTTA
AAGCAGTTGGCGAAAGTGTCCAAAAGCCACTGCTCTACTACGACAACAACCTTAATAGGGACAATTGTCCTGTT
TGAAGTCATGGCTTCCCACGGATGCAAAAAGCTTGTGTTTTCATCATCAGCCACCGTTTATGGTTGGCCAAAGA
CAGTCCCTTGACCCGAAGAGTTCCCTCTGTCTGCAACAAACCCTTATGGACGAACCAAGCTTTTCATCGAAGAA
ATTTGCCGCGATATTTACCGATCAGATTCAGATTGGAAAATCATATTGCTTAGATACTTCAATCCAGTAGGTGC
TCATCCCAGTGGAGACATTGGTGAAGACCCCCGTGGAATCCCAACAACCTTGATGCCCTTTGTGCAACAAGTT
GCTGTTGGCAGACGGCCAGCCTTGACAGTTTTCGGATCCGACTACTACCACGGATGGAACCGGGGTTCTGTG
ACTACATTCATGTTGTTGATTTAGCTGATGGACATATTGCTGCATTGCGCAAAGTGGATGATCCCAGCATAGGC
TGTGAGGTTTACAATCTGGGAACTGGAAAGGGTACTTCAGTTTTGGAGATGGTTTCAGCATTTGAAAAAGCGT
CTGGAAAGAAAATTCCTTGTGATGGCGGATAGACGACCGGGGAGACGCCGAAGTCGTATATGCCGAAACAG
ATAAAGCAGAGAAGGAGCTGAAATGGAAGGCAAAGTATGGAATTGAAGAAATGTGCAGAGATCAGTGGAAAC
TGGGCAAGC

>trans_s_522 NM_106005|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G73460) mRNA,
complete cds

TACGACTATATGATTACTTCTACTATCGGGAGCATTGTGTAATTGTATGTGAACTTCTGAAGCAAACCTGTATG
AGTTTCACAAATTTAATAGAGAATCAGGAGGAGAAGTCTACTTCACCATGCCAAGATTGCAGTCAATTACAAT
TCAATGCTTGGAGGCACTTCAGTTTTACATGGTCTTGATCTCATACATTGCGACTTAAAGCCTGAAAATATATT
GGTGAAAAGTTACAGTAGATGTGAGGTGAAAGTTATTGATCTCGGAAGCAGTTGTTTTGAGACAGATCATCTC
TGCTCTTATGTTCAATCCCGATCTATCGTGCCCCAGAGGTTATCTGGGACTTCCATATGATAAGAAGATAGA
CATATGGTCTCTTGGCTGTATCTTGACAGAACTTTGTACTGGCAATGTTCTGTTCCAAAATGATTCACCTGCTAC
ATTACTTGACGTGTGATTGGAATTATAAGTCCTATTGATCAAAGTATGCTTGCTAAGGGACGAGATACATAC
AAGTACTTTACCAAGAATCATATGCTGTATGAGCGAAATCAGGAGAGCAATAGACTGGAGTATCTAATACCGA
AAAAGACATCATTAAGGCATCGATTACCAATGGGGGATCAAGGGTTCATTGACTTTGTTTCTCATCTGCTTGAG
ATAAATCCCAAGAAACGCCCTTCTGCATCTGAGGCACTGAAACACCCATGGCTATCTTATCCTTATGAACCCAT
TTCTTCGTGAACGGTCTGGGGTTTCTTTGGATCTAATAATAAATTACAGCTATCTTCGTGATTGTAGTTTATTG
GCTTTTCTCAAGCAGGATGGAGCCGCAATGTGATTCATGGTTTAACATGGTTGGCCTTTCTAACTGATTTTTGA
AGGGATTTTTGCACTTCAAATTTCTTCCAATCGAATGAAAGGTTTGTTCAAGTTTTTCATGTTGTACCGAACTTT
TTATCCCCTACCAAGTTGTGCCCTATTTAACCACAATCAAATGTAGTTTTTGCTGACTTTATGTGTATTCTTG
GGGTTTCTCTATTTTTATCGATTGGAAGGGGATAATCTTGTTGTACATGTGTGATAATTCTTAGGTTGTTAG
CTATATTTTGCGAAAATACTTGACCCAAATTTGTAGCAAGGGCAGTCAGGATTCAGTATGTTGTGAATGTCTG
TTAGGTTTTATTAGAACTACTAACTGGGACTTTCCCGCAATCTCTAGGGGGTCTGGTGACTAAAGAATGGAT
ATTCACGCCGATATTTGAATGTCGCTACAATATCAATCCCATTTTGTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_523 EU880297|Populus trichocarpa protection of telomeres 1 protein mRNA, complete
cds

AAAACCAAAAGGTTAATATTATTGGCGTAATCATCGAGTTCGGTTTCCCTAGGCGAACCAATGGCACCGATTG
CTTTTGTGCTGTGAAAATTGTTGACCAGTCTCATCATAAACCTGGAATTACTGCGAATATTTTTGCTGAAAGTCT
GGAAAAGCTTCCCCATGTTGCTTCTGCTGGAGATATCATTGAACTTTCGCATGTTACGATGAAAACCTCATCAGG
GAGAAATATATGCCGTCTTCAACAAGAAGTTTTCTTCATTTGCTTTGTACGAGGGAAAAGATGGATCGGGCTT
TCTACCATATGATGTATCACCAAAATTTGATCCAGAGATCTTGATAAAAAGTTTCATTGAGAGTCTGAGGGATT
GGCTGGTTAATTTGAACTTGATGAAGGATCAACCAACTTTTCTTTCGTTAGGGATTTAAAGGAAAGTGAACAT

GTAAATTTGATCTGCAAGATTGTCTACATGTGTGAGTCTAATAACGAGACTCTCGCTTTTGCTGGGATGGAAC
TGATTCTCAACCAATCAGTATTGACACCAGGTTAGCGAATGAAATTGATTATGCACATCAGTCCGGACCATTGA
TTTTGCCGAGAGATATATTATGTATACTACCTCCCGTTGGCTCTATCTTGAGGCTGATCTTTGACAAAGGGATT
GAGAAGCAGAGTTTTTCCATGCTCAACACTGGTAAATGGATGAAATTTGTGAATGTCTTGTGTGAAATGCAAG
TTGGATCTTTCCAAATTGTGGTGACAACATTTTCAAAGCTTCGTTTTACATCAAATGAAGATATTGCCGTCCAAT
TCCGCCAAAGATCATACGAAGAGCGTTTAGCATCAGCTTTGGGCAGAATTCCTTTTTGGTGCTTTCCTTCGCCC
TCACCCATTACAGAGGTTGATTACAACAACGAACCGTTTGTACATTGATGGATGTTTTGACATATTCAAAGGT
GACTGCTAAATTCAAATGTGTAGTTCGAGTCATAGCAATATATCCATTACAGGCCAAGGACTTCCGCTCTCCTG
AAGGGACTTACCGGGTTAGGCTGTGCCTAGAAGATCCAACCTGCACGAATCCACGCTCTATTATATGCGGAAGA
TGGAGAGCAATTCTTTGGTGGCTATCCATCCAACGATGCTTTAACAAGGAAACGAAACAAGTTACTTGGGGTT
TCAGCCAGTGAGAAAAATGAGGCCAGTACAAGAGATCCTCCATGGGTGCAATGCTGCTTAAATCTTATTACC
TAAATAACAAGACGTTTTGGGAACCAGACAGTACAGAATATTTGGCACTCGGCTGGAAGTAGAAGATTAAT
AGATGAAAAAG

>trans_s_524 AY496910|Glycine max cytosolic malate dehydrogenase mRNA, complete cds

CTTCATCTTCCTCAATCTTCTCTCCACTCTTCCACTGATTCTCCTTCGTTTTTCTCTTCCGATTCTTCATCTTTCTCT
TGATCTTCCTCACTCATGGCTCAAGAACCAGTTCGAGTCCTTGCTACTGGAGCTGCAGGACAAATCGGATATG
CTCTTGTGCCTATGATTGCAAGAGGAGTATTGCTAGGACCTAACCAACCTGTCATCTTGACATGCTTGATATC
CCACCTGCTGCTGAGTCTTTGAATGGCGTAAAGATGGAGTTGGTGGATGCTGCTTCCCACTCCTTAAAGGTG
TTGTTGCTACAACCTGATGTGGTTGAGGCTTGCCTGGTGTCAATATTGCTATCATGGTTGGTGGATTCCCAAG
GAAAGAAGGTATGGAAAGAAAAGACGTGATGTCCAAAAATGTCTCGATTACAAGGCTCAGGCTTCTGCCCT
TGAAAAGCACGCTGCTGCCAACTGTAAGGTCTTGGTCGTTGCCAACCCGGCTAATACTAATGCATTGATCTTG
AAGGAGTTCGCTCCTTCCATCCCGGAGAAAAATATTTCTTGCTTGACTAGGTTGGATCACAACAGGGCATTGG
GCCAAATTTCAAGAGAGATTGAACGTTCAAGTATCAGATGTTAAGAATGTTATTATCTGGGGCAACCATTATC
AACACAGTACCCTGACGTCAACCATGCTACAGTCAAGTTACCATCTGGGGAAGAGAAATCTGTCCGCGAGCTT
GTTGCTGATGATGCATGGTTGAATGGAGAGTTTATTAGCACTGTTCAACAACGTGGTGTGCAATCATCAAGG
CCAGGAAACTCTCGAGTGCATTGTCTGCTGCTAGTGCAGCTTGTGATCAGTCCGTGATTGGGTGCTTGGAAAC
TCCGGAGGGGACCTGGGTTTCCATGGGAGTTTATTCTGATGGATCATAAATGTACCAGCTGGACTGATCTAC
TCATTCCCCGTTACCTGCCGTGACGGTGAATGGTCAATTGTGCAAGGACTTTCGATTGATGAATTCTCTAGGAA
GAACTGGACTTGACTGCTGAGGAGCTGACCGAGGAAAAGGCGTTGGCTTACTCATGCCTCTCCTAAATATAT
AGTAAAGTGCCTCTTAATTTACTTTTTGTTGAATGGCTACAGTTTTGATTGAATAATGCCATTGTTAAGAGGAG
GTCATAGGAAGCAGTGAAAACAGGACAATACAACATCTTCTGCTTCTTGGTGTGTTTTATGTAATTCCTATTTTG
TTGAGGATTTTTCTTTCCCTTACGGCTTCAGCCGGCAATGAAACCATCATCAACTGCCAGTGTATGTGATGAG
TTTTACATGAA

>trans_s_525 AB554221|Glycine max GmGla mRNA for GIGANTEA, complete cds, cultivar:
Moshidou Gong 503

ATTGCTTAAATTTTTCTGTATCATTTTTGATTTAACTATCATGATTCCTATCCTTGGTAAATTAATAAGCTAAT
GCTGCCATCAATTTATCGAGATTGTATAACAAAGAAGAATGCCTTTTATCGTGTTGCCAAGATTTGTTGCTAGA
GGAACATTTTCTTAAAAAATTGAAATATTTCCATGGAAATGGTGTGCTGAATTAGTAGCTCAAGTTCCTGGGT
TACCTCTGTTGAATGCTTCATGTATTATAGTTACTTACCTCTGTTGAATGCTTCATGTATTATAGTTACTTCTATT
GCAGCTGTTGTACTCCAGGCTGATAGAGAATTCAGCCTTGGATTGCTAAAGATGATAACCAAGGGCAAAAG
ATGTGGAGAATCAATCAGCGGATCATCAAATTGATTGTTGAACTCATGAGGAATCATGATAAACCGGAATCGC
TAGTAACTTTTGAAAGCGCATCCGACCTCTTTTGCCTGCTACAGATGGAATGTTAGTAGATGGAGAAGCTTG

CACTTTGCCCCAGCTGGAGCTCCTAGAAGCAACAGCTCGAGCAATTCGACCGGTGCTGGAGTGGGGAGAATC
TGGGTTGTCCATCGCGGATGGTCTTGCCAACCTTTTGAAGTGTCGTCTACCAGCTACGGTTCGGTGTCTTTCTC
ATCCAAGTGCACATGTCCGTGCTTTGAGTACATCAGTTCTTCGCAATATTTTGAAACTGGTTCCTATGTCCTTA
GATCTACACCAAAGAACATAAACGGTGTTACAGTCCATCTTTTCAGTACTTCAACAGGGAAGCCATTAACTG
GAAAGATGACCTTGAAAAGTGCTTAACTTGGAAGCTCATAGTCGACTTGTAACCGGAATGCCCATTGAGGTT
CTTCATGTTGCTGCCAAGGAATTAGGCTGCTCTATTTCTTTGTGATATTAATACTAGGGCATTGGGAGCAAATTTA
CTCTGACGATGGGCGAGAGGCTTGCATAGAGAAATAGTAAGTATTGATTGATTGCGAAACAAGCAGTTTCCTAT
TAGCTACTACTAAGCTTTCTCATTCTGTTTGAGAAATAAAACCTCATAATAGTTCCTTATTCTGGCCAGAGGTTCT
GTACTTTTTTCATATGATGAGATGATCATGTACAGTAACATTATGACAGGGCAACCAAGTTTCTCACCTATCTTG
TTATCTAGTTGTGTCTGTTTTGTATGTTATAAAAAACCTGTGTTATTTTCAGTGATTGGTCTACCACATGTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAGGTTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_526 EF636725|Vitis vinifera Myc2 bHLH protein (Myc2) mRNA, complete cds

AGGAGAAGGAGGAGCAGGGATTCCCAAGGTTTTTGGGCAGACTTTGAATTCGGGGAACATGGGTCGTTCTCA
TTTCCGAGAGAACTGGCGATTAGGAAGATGGATGAGAGATCATGGGAAGCATGTGCCAATGGAGGTAGAA
TTCAGTTTCAAAGCCCTCGAAATGGCATTTCGAGTCCGAGTTTGGCACACGTACATGGTCTCAAGCAGGGGAA
TCATTCCCCTGCAGAAATTTATGTCTCTCCAACCTCCACCAGTAAATAATAATCATGAGCAGCTAGTCAGTGGAG
TCAGAGATGAATTTGGTCTCAATCCATATCAATCACAAAAGCTGGCCCAAATGCAAATTGATTCTCGGTAGCA
ACGTCAAGGCCTTCTGTGATTAACCGTGTAGGAGCTGATTTCAGAGCATTTCAGATGTAGAGCCTCAATGCAAG
AAGAGGGACCTGGCACCGATGAAAGACGACCTCGCAAACGAGGCAGAAAGCCTGCAAATGGCAGGGAGGA
GCCACTAAATCACGTTGAGGCAGAAAGGCAACGACGTGAAAAGTTGAACCAGCGGTTCTATGCTTTACGAGC
TGTTGTGCCCAATATCTCCAAAATGGACAAAGCTTCACTGCTGGGAGATGCCATTGCTTACATTAACGAACTC
AAGAAAAAGTGAAGATAATGGAATTTGAACGTGAGAAATCCAGCCTCACCTCAAGTGAGGCAACACCTTCGG
AAGGGAACCCAGAAATTGAAAATAAAGATCAATTCCTAGATGTAGAGATTGATGTCGAGGCTGCCCATGATG
AAGTCATTGTGAAGGTTAGCTGCCATTAGAGTCACATCCTGCATCAAGAGTTATCAAGGCAATGAGAGATGC
TCAGATCAATGTTATTGATTCAAAATTCTCTGAAGCAAATGATAAAGTTTTGCACACGTTTGTCTCAAGTCTCC
TGGATCCGAGCAGTTGACGAAGGAACAGCTGATAGCTGCATTTTCCCGGGACTCAACTTCGTTACATCCTCTAT
CAACGGTTGGGTAGCACAGAAGTAACAGTAACATAGAGTGGATACATAGGTTTCGTTAGTATGTAGTGAGAAG
AGCCCAACTGAAAGCTTCTTCAGAAGTTTTGATTACAGCAGGTATTATTCTTACAGGAATTACACTTCCAGTG
AGAAGTAGGGAGATAACTATTTATTATTAACCAAGTAGGAGAGCAGAATTTATGTTGTTTATAGTACACATTG
TTATTATTATTACTGTTATGTCATAATGAAGTATTCTTGCAACATGATTTAAATCTGTAAGTTAGGGGAGTTTTT
TCTTTGGGTCTAGTCAACTGTT

>trans_s_527 NM_101047|Arabidopsis thaliana CLPP6; serine-type endopeptidase (CLPP6) mRNA, complete cds

ATTGATACTGTTGTAATTTCCGTAGTCTCTTTTTTGGTTTCATGTTGAAGCGCTCTTGAACACAGCGCCATTCTC
ACAAGCTTCGCTCAAAATGGTAGTAGCTTCACCTTTTACTGCATCTCTCACTTTCTCTGTCGCTTCGCTCAATCG
AACGTCATCCATTCTCACTTTCTCGAAGATATTCACACAGGTCCATAGTCTCTGCTTTGCCGAGGCCTTATGG
CGACTCCTCCACAATTGGATTATCGAGTAAAACAAATGGGGCTCCTCTAAATCTTGACGATAAAGACTTTCTTC
TCACCAGTACAAGTTATGGACCTATAGAGGCTAGGAAAGGTAATCCACCCATTATGCCTGCTGTGATGACACC
AGGAGGGCCATTGGATCTCTCTTCTGTGTTATTTAGGAACCGTATTATATTTATTGGTCAACCTGTCAACTCGA
CCGTGGCACAGCGAGTTATATCACAGCTTGTGACTCTAGCAACAATTGATGAGGATGCAGATATTCTGGTATA
TCTGAATTGCCCTGGTGGAAGTACATACTCAGTATTAGCAATTTATGATTGTATGTCTTGGATAAAGCCTAAGG

TTGGCACAGTGTGCTTTGGAGTTGCTGCAAGTCAAGGGGCTCTTCTCCTTGCAAGTGGAGAAAAGGGAATGC
GCTATGCCATGCCAAATTCTCGAATTATGATTCATCAGCCACAGAGTGGATGTGGGGGTCATGTAGAGGATGT
TAGACGTCAAGTCAATGAAGCAGTTCAATCACGCCATAAAGTTGACATGATGTATGCTGCATTTACTGGCCAA
TCTATAGAGAAAAGTACAACAATACTGAGAGGGATCGATTTTTGTGAGTTTCCGAGGCTTTAGAGTTTGGGC
TTATTGACGGTGTGCTGGAAACAGAATACTGAGCTACGATTTGGGGAAGATGAAATGATAATCAGCCACGCG
TGATCTAATTATGCAAGAATTTGACTTCTGAATGGGGAATTTATTTAGTCTGTGGAATCGTCATCTCCAAGCA
TCAAAGTCTCGGTCCGAATAGCAGCCATCGTTCCACTGGCAATCAATGATTAAGATCTAGCAATAGAGAACAC
GATGATATGATTCTATTATTTGCAGCCAAGTAGATTCTTAATCTCAGAAAAGTACTCTTCTTGAAGTGTAC
ATTGTCCAAAGCTTGTGAACATTAAGAATTCATCCTGATAGCCATCTTGAAAAATAGAGTATACTCCAGAAGCA
GGTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_528 EF195120|Populus tremula x Populus alba TGA transcription factor 2 mRNA,
complete cds

ACATCTGGTGGTCCTCGTGAAAAGTGGGGAGAGTCTAATATGGCAGACACCAGCACAAGGACTGATACCTCC
ACAGATGACACGGATGACAAAAGTCAAAGGCTTGACAAGGATCAAGGAACTCACCTGCCGTATATGATTCT
AGCAACAAATCAAAGAAAAAACAGCCGACCAGAAGACCTTGCGAAGGCTTGCTCAAATCGTGAAGCTGCT
AGAAAAAGCCGTTTAAGGAAAAAAGCATATGTGCAGCAGCTAGAAAAGTAGCAGATTGAAGCTTACTCAGCTT
GAGCAAGAACTCCAGCGGGCCCGCCAGCAGGGTATATTTATTTCAAATTCTGGGGACCAAGCTCATTCAATGA
GTGGGAATGGGGCCCTAGCATTTGATGTAGAATATTCACGTTGGTTAGAGGAGCATAACAGGCTGATGAATG
AGCTTAGAGCTGCAGTTAATTCACATGCTGGTGACACTGAACTTCGTACTATTGTAGATAATGTGACTACACAG
TTCGATGATATTTTCAGGTTGAAAGGCATTGCAGCCAAAGCTGATGTGTTCCACATCTTGTGAGGAATGTGGA
AGACACCAGCAGAGCGGTGTTTCCTGTGGATTGGTGGCTTCCGTTTCATCCGAAATCCTAAAGCTTCTTGTAAC
CAGTTAGAGCCTTTGGCTGAGCAGCAGCTAATGGGCATCTGCAACCTACAACAATTATCACAACAAGCAGAAG
ATGCTCTTTCACAAGGAATGGATGCATTGCAGCAATCGTTGGCCGAGACATTGGCCAGTGCCACCCCTGCAAC
GTCGGGATCGTCTGGGAATGTGGCAAATTATATGGGTCAAATGGCCATGGCAATGGGAAAGCTTGGAAGTCT
TGAAGGCTTCTTACGCCAGGCGGATAATCTTCGTCAACAAACACTTCAACAAATGCATCGCATATTGACAACCC
GTCAATCAGCCCGTGCACCTTCTTGCAATAAACGACTACTTCTCCCGCCTTAGAGCCCTCAGTTCTCTGTGGCTA
GCACGGCCACGAGATTGAAGGGTATCAAAGTTCTTTCTACTTAGTCTGCAGACTGAAATCAAATTTTATCGAAC
AAGAGCCTCAAGCGCTGTTGGATTCTTCATTGGATGAAGCTGGTTCTGTGACAGAAATTTACAATGAATGA
AGATGGGTAATGGTATTAGGTGAAGTTTGTGAATGATATATACATATATATAGCTTTCACATTGTCAGTTGTTA
GTGTCGGTGGTGTGTATGCTTATTACAATAATCTCTTTATGTAGTTAGGCGATGTTGCATAGAACTGAAAAG
GAAAATAGGTTGTATCTGTA

>trans_s_529 NM_001052965|Oryza sativa Japonica Group Os02g0247200 (Os02g0247200)
mRNA, complete cds

TCCATCCCGCCTTGTGTACACTCCTCAGTGCAACTTTCATACCATCTTCTTTCTCAACTTTTCTTTCTAGGGTTTT
GGCGCAGGGTTTTGACGTTCTGACTTCATCGAAGCCACTCATCATGCACGCTCCGGTTCTCGTTCTCAAAGAT
TCTCTAAAACGTGATTCTGGGAGCAAGGTTACCATGCTAACATCCAGGCTTCAAAGGCTGTTGCTGATATTAT
TCGTACCACGTTGGGCCCAAGATCTATGTTGAAGAAGTACATAAAAGTTGAGAAGGTTCCAGGTGGTCAGTTA
GAAGATTCAAAGGTTCTTAAAGGAGTGATGTTTAAACAAGATGTTATCGCCCCTGGAAAAATGAGAAGGAAG
ATTGTCAATCCACGCATTATTCTTCTGACTGCCCCCTAGAATACAAGAAAGGTGAAAACCAGACAAATGCTGA
GTTGGTCAAAGAAGAAGATTGGGGAATCCTACTGAAAATGGAAGAGGAATACATTGAGAATATCTGTGCACA
GATAATCAAATCAAACCTGACCTGGTTATCACAGAGAAGGGCCTCAGTGATTTGGCTTGCCATTATCTGAGT

AGAGCTGGTATCAATGCAATTAGGCGGTTGAGGAAAAGTACAAATAATAGAATAGCCAAGGCTTGTAGTGCT
GTAATTGTGAACAGACCTGATGAGTTGCAGGAATCAGATGTTGGAAGTATGCTGGATTATTTGAAGTTAAGA
AGATAGGGGATGAATTTTTTGCTTTATAGTGGATTGCAAGGAGCCAAAAGCATGTACTGTGCTACTGAAAAA
CGCTAGTAAAGATCTTTGAATGAAGTAGAGAGAAATTTGCAGGATGCGATGTCTGTAGCAAGGAACATATT
AAAAAATCCAAAAGTGTCTGCTGGGGGAGGTGCTACCGAGTTGACTGTATCTGCTACGCTTAAGCAGAAGAGT
TCTTCTGTTGAAGGCATAGAAAAGTGGCCTTATGAAGCTGCTGCATTAGCTTTGAAGCCATACCTCGAACTTT
GGCTCAGAATTGTGGGGTGAATGTAATACGAACCATGACAGCATTGCAAGGAAAGCATGCCAATGGTGAAAA
CGCTGGACAGGTATAGATGGAAACACTGGTGAAATCACTGACATGAAAGAGCGTAAGATTTGGGATGTGTA
TAATGTAAAGGCCCAAACCTTTAAGACAGCTATAGAAGCTTCTGCATGCTGCTAAGAATCGACGACATTGTT
AGCGGTATTAAGAAGAAACAGGCACCAGGGGAGGACCAACAAAGCCACAAATTGAGACGGAAGCGGATGC
AGATAATGAGNCAATTCTTC

>trans_s_530 NM_125099|Arabidopsis thaliana macrophage migration inhibitory factor family
protein / MIF family protein (AT5G57170) mRNA, complete cds

ATACTATAGGTTAGCAAATCACAATCTTGTTTAAAAGATAAAAATTGGTTGCTTTAAAATTGTAAGCACATTCT
TAATATTCATAAATTAGTTTGAATTCAAAAAAAAAAACTTAATTATTAACGTAAACAAAATATATAAATTCA
TGATTTGTGAAAAATCCTTCAATATCAACATATCTATAAATTTGAAGTCTTGAAATTGACACTGATATTTTCGTA
CGGTTGCACAAGATCGAAGGGGACCGATTGAGATTACGTTCCGACCCATTTTATCTGCAAAGTCTCTCTGGAA
GCCACCCGTCGCCATTGCCATTTTATATGCACAGAGGACAAGCTTTAGCTGGTCATCCCCCATTAGCAGCTGCA
GAGGAAAAATGCCGACTTTGAATTTATTCACGAATGTTCCAGTCGATACTGTCGTCGCCGCTGACATCCTCAAG
GACGCTTCGAAAGCCGTTTCTAAAATTCTCGGCAAACCTGAATCTTATGTGATGATCTTGCTGAATGGTGGCAC
TCCAATTATATTTGCTACGACGGAAGAGCCAGCCGCGTATGGAGAGTTGATTTCCATAGGAGGCCTTGGACCT
GGCGTGAATGGAAAAGTCTAGCTCAACAATTGCTGAGATTCTTCAGACCAAGATCCAAATTGATGGTTCCCGTT
TCTATATCAAATTTTATGACGTCCAGCGCTCAAACCTTCGGGTATAACGGCTCAACATTTTGATAAGTATTTTGT
GGATCATAAGACAGAAGTGTTATCAAGCATGAAAGTTGTGGAGTACTAAGATTATTCAAGGGAGTTGATGGA
ACACATTTTCTGCCATTATTTGTAACTATTTGAATGTGGATGTAAGTGAATGATTGTCTTGCAATTTTATTTGTT
TGAGTGTTTCATATCATTAAAGTATAACAACAAGCTGAGCTTCTCGGTTGAGTTATTCGATCTTTATTGTACAGA
AGAATTGGTCCATGCCTCGGTTATGCAGTTTTCTTAGAGCAACCACTTCTACCTTATCCAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCAAAAAGTACCAATCCCCCCCACCCCGGGGGGGC
CCCGGACCCCATCCCCCTAAAGGAAGCCAAATTACCCCCCTCCCGGGCCGGGTTTTAAACCCCCGTGCG
GGGAAAACCCGGGTTTCCCCACTTTACCCCCCTGCCCAATCCCCCTTTCCCAAGGGGGCAAAAACAA
AAAAGCCCCC

>trans_s_531 AJ243875|Lycopersicon esculentum mRNA for RAD23 homolog

TCTCTTACTCGCGCTTTCGGTTACCGTCGTTGGAATCCTTTCCTCGTTCTAGGGTATTAGCATAATTCTCTCGAT
TCCGACGTCGGACCTGCTGCTGCTGTGGTCTTGATCTTCGCGAAGGCAGCCATCAATTTCCGAAGATGAAGA
TTTTTGTTAAGACTCTCAAGGGCTCTCACTTCGAAATCGAAGTTCAGCCTGCAGATACGGTTGCCGATGTGAAG
AAAAACATAGAACTGTTCAAGGTGCTGATGTTTACCCTGCTGCACAGCAGATGCTTATCCATCAAGGGAAAA
TCCTTAAAGATAGCTCAACACTGGAGGAAAATAAAGTTGCAGAAAATAGTTTTATTGTAATAATGTTAACAA
GAATAAAAGTTCATCAGGTGGGACATCTTCTACCACACAAGCTGCGCCAGTATCAAAGGCACCACAGAGCACT
GCCCCTGCGCCCGCTGCTACTCCAGTGTCAACTACTGAAGTTCCTTTACCAACTTCAGCACCGCCTGCTAGTGT
TACTGCTGCTTCTCCTCCCGCTCCCTCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTC
CTGCTCCTGCTCCTGCTCCTACTCCTACTCCTACTCCTACTCCGGCTGCAGCTCCAGCTCCTGCAACTACTGTTTT

GCCGGAAACAGATGTCTATAGCCAAGCAGCTTCTAACCTGGTTGCTGGTAGTAACTGGAGGAGACTATCCAA
CAGATTCTTGACATGGGTGAAGGGGTTTGGGACAGGGGACACTGTTGTTGAGCGCTTCGTGCGGCTTACAAC
AATCCAGAAAGGGCTGTTGATTACCTTTATTCTGGAATACCTGAACAAGTTGAAGCCCCACCTGCTCGAGTTCC
TTCTACCGTGCAAGCAAGCAACCCTTCTGCTCAACCTGCACAACCAGCCCAACCTGCATCTGTGCCGTCATCAG
CTGGCCCAATGCTAATCCATTAGATCTCTTCTCAGGGCTTGCTAATATAGGTTCCGGAGCTGTTGGTTCC
GGCAGTCTTGATTTTCTACGAAATAGTCCTCAGTTCCAAGCTTTGCGAGCAATGGCCCGAGCTAACCCCTCAGAT
ACTCCAGCCTATGCTTCAAGAGTTGGGTAAACAAAATCCTCAGCTGATTAGGCTAATTCAAGATCATCAACCTG
ACTTCTCCGCTTGATTAATGGGCCCTCGAAGGAGAAGGGAATATACTTGGGCAGCTTGCTGAGGCCATGCC
CCAGGCTATAACCGTAACCCCGGAGGAGCGTGAAGCCATTNCACGGCTTGAGGATATGGGTTTCGACCGAGG
TCT

>trans_s_532 DQ086835|Vitis vinifera small basic intrinsic protein 1 mRNA, complete cds

TCCATGAATATGATGAATCCTCAACCATAGTTGTGATTCTCATCTTTTCCATTTTTTTCTCTCACAATTTTCTCT
TCTTATTCAACTCCATTGATTTGATTCTTCTTAATCGAACTAACCCAGATTTTTTACTTCACTGTTGACCTATT
CCCCGCCGATTTCCCTTCCGCCGGCCAATTGCTTCTCCTAACCATGATTAATTCTATCAAGGCTGCGATCGGCG
ATGCCGTTCTCACTTCCATGTGGATTTTCTGTGCTTCATCTCTTGGGGTCTCACTTCCGTTCTTACTCAGCCGC
CGGTGTTTATGGAATCCCACTTCACCCACTTCTTATCACTACTACTCTTGTTCATTCTTGTTTTGTTTTAATA
TAATTGGTGCTCTTTTGGGTGGAGCTAGCTTTAATCCTACTGCCACTGCTGCTTTTATGCTGCTGGTGTGGGT
CCAACCTCTCTTCGCCATGGCTATCCGTTTCCCTGCTCAGGCGGCTGGTGCGGTTGCTGGTGCCATGGCAAT
CAAGGAGGTGATGCCTATACAATACAAGCACATGCTTGGTGGACCTTCTTGAAAGTTGACATTCATTCTGGA
GCTACAGCCGAAGGAGTTTTGACCTTCATAATCAGTTTTGCTGTTCTTCTAATTGTAAGTCAAGGGTCCCTCCAG
CCCTGTTATCAAAACATGGTTGCTGGCAATGGCCACCGTAGCGTTAATTGTTGCTGGTTCTAGTTACACAGGAC
CTTCCATGAATCCTGCAAATGCATTTGGATGGGCATATCTAAACAACAGGCATGATACATGGGAGCAGTTGTA
TGTGTAAGTGGATCTCCCCCTTCGTAGGAGCCATTTTGGCTGCTTGGCTTTTCAGAATCATCTTCCACCACCACC
CCCAGCCCCAGCCAAGCAGAAGAAAGCTTAAAACCGGTAGTTGAAATGCTGGTGCCATCGCTGCGGCCCCCA
CCGTGTTTCTTTAGATAAGCTTTGATCAATAAAATGTAGCAAGTAAGAGCTTCTAGTTCTGTTCTTAAGTTAATT
AATTGGTAGTGTTTTAAAATTTATATTTTGGAGCTGCTTCTGGATCAATAATCCTTCAATTAGATTCCCTTTAA
ACTAAAATTTGTTTAGGCAGTTATGTTTAGTTGATTCTTATAATTATTTCTTCAGGCTTGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_533 EU188919|Vitis vinifera cryptochrome 1 (CRY1) gene, complete cds

CAGCAGAAGATGGTAGAGCAGAAGTACCTACAAATGCAAATCTACCCCAAGAGCCCGCCAGAGATGCAGTTA
ACCCAAGAGCTATGCCAACTGCTCCGACACAGACTCGGCTTCCCTATACCGCAGGTATAGCCCTAAGAATTCT
GTTGAAGACTCGACTGCAGAGTCTTCTTCCAGTAGTGATGTTAGAAGAGAGAGAGATGGAGGTGTAGTTCCG
GTTTGGTCTCCACCAAGTTCGAGTTACACGGAGCAGTTTGTGGTTGATGAAAATGGAATTGGAAGTCTCTT
CGTTCTTGAGGGGCATCAACAGACTCATCAATAATCAATTGGAGGCGGCTATCTCAGACTGGGTAACAACT
TGTGAATCATATGCTGTAGAGGAGATAAAATGTTTCATATTCTCTGGTGGCTATATCCCCACAAGAAGTAGTTG
GTAGCTTGGACTTCTTTTCCGTCTCGAAATCTTCTAGCGAAAAATACGAACGATTTGCTGCATAATCATCATC
CTATAATATGAAAATTTTCATGTTTGTTAAAGTTGTTTCTGTGTCTTTGACATGATTCAATGGGCTTTTCTTAA
AGGTGAGAGGCAAAATATGGGAAACTAGCAGACAGTGGAGGACAATGCAATTTCACTCGATGCTATTTTATT
AGGGGTGGTCAGGTCAGCCAGATGGTGAACAAGCAACAACTAACATGTTCTTCTACTTTCTCCACCAATCTG
ACTTGACCATTGGTCGCTGTACGTGTATGAAATTCCTAACTGATAGATGCAGTTCATCTGCTGATGGTCATCT
CCCTCCTTCCCTCTCTTGTGCTCTTCCGTTATTACGGTTGTATCATAAAGTCTTGCTATGCTGTATAGTGAAA

GTTGTAATTTGTGTAGTTGTAACACCAAGGGTAGAGAATTGAAATAGCGATTGTCAGTCGTCTTGAATAAAC
TCAAGTTTGCGACTAGCCCGAATTCTTGTAAAGCTTATGCTTAAGCTATGGAAATATTTCTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGGGCCCCGCCCCACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAGCACCACACCCCGGGGG
GGGGGCGGCCGCAACAACAACACGAACGGAAAGACCGCCCCCCCCAACAGCGGCGCCGACAGAAAGACAA
AGGGGAAAGAACCAGAAGCG

>trans_s_534 NM_102294|Arabidopsis thaliana ALB4 (ALBINA 4) (ALB4) mRNA, complete cds

AGCTGGCATAAACCCACTGGCAGGATGCCTACCCACGTTGGCAACAATTCCTGTATGGATTGGACTATACAGA
GCTCTCTCAAATGTGGCCAATGAGGGTCTCCTCACGGAAGTTTTTCTGGATACCTCTCTGGCTGGTCCAAC
TACGATTGCGTCCCGACAAAATGGGAGTGGTATTTCTTGGCTCTTTCATTTGTTGAAGGTCATCCTCCACTTG
GGTGGTCAGATACCTTGCATATCTTGTTCCTGTGTTGCTGGTCTTCGAGTACATCTCTGTTCAAATTA
TGCAATCATCGCAGAATAATGATCCAAGCATGAAGAGTTCTCAAGCCATAACGAAGTTCCTACCATTGATGAT
TGGATATTTTGTCTTTTCAAGTTCCTTCTGGTCTAAGTCTCTATTGGCTCACCAATAACATCTTGAGCACAGCTCA
GCAAGCTTGGCTTCAAAGGCAGGTGGCGCAAAAACCTGGACAAACAGTTCATCGATGAAATCGTGAAACA
AGAAGAAAAACAAGCCCGAGTCCAGAGCGAAGCGCCCAAGTTAACTCAATATCAAGTAGCACAGTAGCTCG
ACCAGAAGAGAAGCTGACAGCAGAAGGGCTAAAGCCTGGTGAAAGATTTAAACGGTTAAAGGAGCAAGAGG
CTAGGTTAAGACAGCAAAGAGAAGAAGAAAAAGGGAAAGCGGAAGAGTCTGCCAAGGTTGAATCTCTGACA
ATAAATGACAGGGACAAGAGCGCATCTGNTTGGAGTTGTTGTCAATGGTAGTCTTTCTAGGCAGGAGGATGT
AAAGGAAGATCGAAATTCATACCCACGACTACTATGCAAAGAAACGATGTGGATAGTGAGCCAAGTGCAAC
TCAGGGAGAGGGAGTGCTCGAGACATACTAGGGTTGCCAAGGATGCCAAATTAACGGAGAAGAACAAA
GAGAGTAACTGGTTAAGGGAAGATAGAGATAATGTTTCGATTATACAAGCCAGCAGGCTAGTTCACATGGTT
GATATGGCACTAAAGCCAATTGTTTCGCATAGCTCGATACCGTGAAGAATTACATTGGAGGTATCACGAATAC
TGAAGTTGAACTTTCTCTGGTGGTCGCTTCAGTCTTAAGAGTTTACTCATCCACGATAAATTAGGGTACGGGA
TCTGGATTTTGGCGCACTTTTGTGATTTACGGAATGTAATCTGTAATCTGTACAATATAGATGAGTACTTG
GTTTTTGTCTTAGATCTTAATCACAATAAAATAAGAAATTACTCTCAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_535 GU295066|Gossypium hirsutum U2 small nuclear ribonucleoprotein A mRNA,
complete cds

ACGCACCGGTCTTTTGGTGTGCTTCCTCGTCGATGCCTTCCCTTCCCTTCTTCTTCTTCTTAAAGCCCTAAACCCCA
TCGTCGTCGTTCTGGTCGTCGTCGAAGAAGAAGAAGAAGAAGATGGTGAGACTGACGGTCGATTTAATC
TGGAAGATCCTCATTTCTTCAATGCCATTAAAGAGCGAGAACTGGACCTTCGAGGTAACAAGATAGCGGTGA
TAGAAAACCTAGGTGCCACCGAGGATCAATTTGATGCCATTGATTGTCTGATAATGAGATTGTAAAGCTGGA
AAATATGCCCTATCTTAATCGATTGGGCACATTGCTGATCAATAATAATAGAATCACTCGTATCAATCAAATA
TTGGAGAGTTCTTGCCAAATTTACATACACTAGTTCTTACAAACAACAGACTTGTGAACTTAGTAGAGATTGAC
CCGCTGGCATCCCTTTCGAAACTTCAGTTTCTTAGTTTGTGGATAACAATATTACGAAGAAGCCAAATTATCG
ATTGTATGTCATTACAAGTTGAAGTCGGTCCGCGTGCTGATTTCAAGAAAGTCAGAAACAAGGAGAGATTG
GAGGCTAGGAATTTATTTTCGTCTAAGGAAGTTGAAGAAGAAGCAAAGAAGGAATCTGTGAAGACATTGCTT
CCAGGTGAGGCAGAGAAGGCATCCAAACCTGTGGAGGAGAAACAACTCCAAACGTGTCTGCGCCAACACC
GGAGCAAATTATAGCTATAAAGGCGGCCATTGTTAATCCCAAACCTTGAAGAGGTTGCAAGATTAGAACAG
GCGCTTAAGTCAGGTCAGTTACCTGCAGATTTGAATCTTCTAGAAGATAATACCGCACCAAACATCACAAAAG
ATAAAGATGATAAGACAACGTCTGGTAGCGGAGATGAAGAACATGTAACGAATGATGAATCTACACCTATGG

AGCAGGAATAATAGTAGAAAAATTATTGCTGTGACTACTGTGGTGGCTCATCTATAAGTATTCATCAATGGCGA
TCCTGTCGTGCTGATTTGTGGACATTTTTTAAAAAACCATTTGAGAAAGTCTAAGCATGGCACTTCCCAGCCAGG
GGAATGTTAGGCGGATCTTTTGCCTCTCTTTGTAAGAGTTGGGCTCTCTTTTCTTTCCCTTTATTTCATTTTCC
TTTTTTTTTTCTTTGGGTAAAGAATATTCTAAAAATATGTACGGAGTCTTTGTTTTTGCTGTATTACAACACTTT
GATGGCTTTTGAAATTTCTTACTTTAAAATATATGTACGATTATTTAGCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_536 NM_001054549|Oryza sativa Japonica Group Os02g0730500 (Os02g0730500)
mRNA, complete cds

ACCCTCGTGAACCCAGGCAGCCCTCTCGCGCCAACCCTCATTCACTCGCCGTCTCCTCCTCAATCTTCTTCAGTC
TCCCgatcttgactacgcaagacagcttaatccctagggtttcgtgggtctgccgtgtgttcattgtcgacgtc
gtggaatTTTTTAAAATATTTGATGTCGGAAGAAAGCCATAATTGGTCTCTCTTGGGAGCCAAAGCTGCC
AGCCTCCTCATCGGGGATCAAACTAAACCTGCGACAAATCTAATAATCAAGCAGAAAACGGTATTGTTTG
AAAAGCAATTCAGAGCTTGTAGATGGGTATTTGTTCCACCAACAACCCAAAAAAGTTGAATAAGTTATTG
AGAAAGCAAGTCAGTGACACGGCTGGGAGGAATTGGTTTGACATGCCAGCAAAAACCATGACCCCTGAAGTG
GAAAAAGATTGCGCCTGTTGAAGCTGAGGAGTGTCAATTGATCCAAAGAGACACTACAAGAAGGGTGATTTCG
AAATCAAAAACGCTTCCCAAATATTTCCAGGTGGGAAGTGTGGTTGAGTCTTCTTTGGACTTCTTCTCGGGTAG
ATTAACAAAGAAAGAAAGGAAAGCAACGCTTGAGATGAGCTGCTATCCGATCAGGCTCTCACTCAGTACAG
AAAACGTAAAGTTCGAGAAATCGAAGAACAGAATCGACCTGGTGGCAACGATAAATGGAAAATAAGGGGTA
ATCATTACGAAAACGGGCAAAGGATAGGAGGAAGTAAAGTCTTCTCACAATTTTGACTTGTAAGCCAGA
TAAAAACGGCAGGATCAAAAATCAAGTTCAAGCGGGAATGTGACTCATTGTGATACAAAAGTATGCGAATTC
ATCATTAGTACTGGCGGTTCCAACTTGATTTATGTGCTTGGTCAAATATTACCCCTTATTGAGTTGATTTGTAT
TAGGAAATGCAATGTAAGTGAAGAAATCTTTTATTGACAAAGAAAGTTAGGACAAAAGTGCTTTTTGAGGAA
CGGACGTGCTGCCGTTCTGTCCATAAGCCATTGGGAATACGAACAAAGCATATGATTGACTTTTCTATGTGTGT
TTAAGAAAGTTTTGTAGAGTTGAAAGGTTGAATGGTAACTATCTTTTAGAATCAGATGGTTTGATTGGTGACG
ATTCTTGATTCCAAGAGTTATTTGCGTTCAACTAAGTTTCAGTCTTTGATATTTATTCTTTGATAAGTTAATAAT
TAAGTGATATAAACATTGCAGTATATATAATAGATATAAATTTACAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_537 AF239781|Gunnera chilensis photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II
CP43 protein (psbC) genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

TCGGGCCCAATTGCTGTTTTGTTTCTGTATTCTGATTTATCCACTAGGTCAGTCTGGTTGGTTCTTTGCGCCT
AGGGGGTGTGGCGCAGCTATATTCGATTCATCCTATTTTTCCAAGGGTTTCATAATTGGACATTGAACCCATT
TCATATGATGGGAGTTGCGGGTGTATTGGGCGTCTGCTATGCGCTATTCATGGTGCTACCGTAGAAAAAT
ACCTTATTTGAGGATGGGGATGGTGCAAATACATTCCGTGCTTTTAACCCAAGTGAAGAACTTATTC
AATGGTCACTGCTAACCGCTTTTGGTCCCAAATCTTTGGGGTGTCTTTTCCAATAAACGTTGGTTACATTTCTT
TATGTTATTTGTACAGTAACTGGTTTATGGATGAGTGCTCTTGGAGTAGTTGGTCTGGCCCTGAACCTACGTG
CCTATGACTTCGTTTCTCAGAGGGCTTACATGATAAGGAGCTTCAGGCCAGAGTCCCTCGCGTTGGGGGCGC
TCTCTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATCCCTGAGG
AGGTTCTACCCCGTGAAACGCTCTTAATGGAAGTTTAGCTTTAGCTGGTCTGACCACTCCAACAATTGGG
ATAGGTTGTTAATTTCCGTAAATCAGGCGACGGGCGCCGGTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCC
GGATTAATCGTATTCTGGGCCGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTCGTACCGGAGAAGCCCATGT
ATGAACAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTTTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTAT
AGACACCTTCTTATTTTGTGTCTGGAGTACTTCACTTAATTTCTCCGAGTATTGGGTTTTGGCGGTATTTA

TCATGCACTTCTGGGACCCGAGACCCTTGAAGAATCTTTTCATTCTTCGGTTATGTTTGAAAGATAGAAATA
AAATGACTACCATTTTGGGTATTCACCTAATTTTGTAGGTATAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAAGCTCTTTA
TTTTGGGGGTGTATATGATACCTGGGGGGGCCCCCCCCCTTTCATTCTTTTTTACCAACTTGACCCCTAGCCC
AAGTGTATATTTGGTTATTTACTAAAATCTCCTTTGGCGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTGG
AAGATATAGTTGGGGGACATGTATGGTTAGGTTCCCGGGTGCGCAGGTTGTTCCGGGTTACGCGAGG

>trans_s_538 NM_100372|Arabidopsis thaliana TIC20 (TRANSLOCON AT THE INNER ENVELOPE
MEMBRANE OF CHLOROPLASTS 20) (TIC20) mRNA, complete cds

AATCCAAACAAAACCCTATCCCCTCTTTGATTCTCGCACAGCTAGCTGCCCACAAGCAACACCGCCCGATTTC
AGCAAAGCGATTTCTTACCTGAAGCGATAATTCGGTAGCAACCCACGACCCTTATGGCCTAAAATCGGATTAC
CCATATCCTGTAGAACACAGGTTGAGTTGCGCGATTCAAGTTTAAGGTTGACATTGGGAAACTTAGATATGA
TTCTCAATGGATGCACCACACCCACTGGGTGCTTCTTCTCAAATTCCAAGTTATCTATTCTAGCCGTTCTTCCA
TCTTACGTAATCCTCGTTGCAGCACACAACTGCTAGCATTAGGAGTTCATGGGAACCTCATTTAAAGCATCAG
ACATGTTACTATGGAGGTCTCTTACCCTTAAAGCTAAATGCTGCATCTTCCCCTCTCTTAAGCGGGGATCTAGG
TGGGTTGCTAAGTACGATCCCAAGGTTACCTGGGAAAAAAAATATTAGCATGACACCGCGGGCATCCAAAGA
TGTCCTACAAGTTATCGTTACCCTCCAATGACCACAAAACCAAATGGTGGTGGAGGACTTTAGCATGCCTAC
CGTATCTAATGCCGCTTCATGAACTTGGATGTATGGTGAAACAGCATACCACCTACACCCGTTCTGGAGGA
CTTTGAATTCCTGACATATCCCTTCTCGGAGCCATTGGGAGACTACCAAGTTGGTCTTGATAGCATATTTTTT
TGTTGCCTATCTAGGAGTTGTAAGACGAAAGGAATGGCCTCACTTCCTTAGATTTACGTTGTTATGGGCATGT
TGATGGAGATTTCCCTGCAAGTGATTGGTACAATGAGTCCGTGGTTGCCATTTCCTCTATTGGGGAAAAC
AGGGATGCACTTTTGGACAGCTGTATGTTTCGTTACATGTTACGGTCTTGGAATGCATGCGCTGTGCTCTTG
CAGGCATGTATGCGGATGTCCCCTTGTCTGCAATGCAGCCTACATCCAAATACCATTTGATTAAGAACTCTTC
GGTTTATAGTCGTGGTATGAGTAGAATGTGATGTAGACATGTAGTTTTGCTACTGTGCTTTTGAAATGAACA
TTGAACATTCTGAACTCTATCGACAATTTCTTAAGTTAGTCTTCAAACATGTATCTTTGTCTTTGTAGAACTGA
GGATTTTGTATGGAAGAAGAGCTTTTGGGCGAAGTAAAGAAGGAAACACGTCCTTACGGGTGGTTAAAGCTT
TATTATCATTTGCATTTTGTCAACTTTGTTATAATGAAATGAATTTGAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_539 U58971|Nicotiana tabacum calmodulin-binding protein (TCB60) mRNA, complete
cds

TTTATGTAGATACGTTAGTGAATAAAGCATATGAAAATTGGAATCAAGTTGTAGAGTACGATGGCAAGTCACT
TTTGAGCTCTAAGCAGCCTAAGAAGTCAAATGCATCCCGAAATGACTTTCAAGGTGGTCATCTTGATCTTTCTA
ATACTCTAGATCACGGATCATTGGCCCGCATGCCAGTGTGAGTTCAACCTCAACAGCCTGTTGTGGATCCAGG
ACTCTCAGTTGCAGGGTATAATGATAGTACAGCCACAAGATATTCAACTCAGCCTCAGTTTGTGAATCAACTT
CTCGGCCACAGTTTGACAATTCTCCATATACTTCTAATGAATTGGTGGGCAATTCTAACCAAGTTCATATTGCG
AGAAATGACAATAGTGCTTTTGGTTTGGCTCTTGGTCTCCACAAGCATCATCTTCAGGGTTTCAGGCACTCGG
TTCTTCAATGCAGGAATCTAATCTGAATCCATTTGATTGGTCTAACAATAGGGACAAGGGAGTTGACGACTTCT
TTTCAGAGGATGAGATTCGTATGAGAAGTCATGAAATGCTTGAAAATGAAGATATGCAACAATTGTTGCGGAT
GTTTAGCATGGGAGGGCATGCATCTGTTAACGTCCATGATGAGGGTTTTTCATTCCCATCATTTCATGCCTTCAC
CAATGCCAAGTTTTGACGACCGTAACCGATCTGGTAAAGCTGTGGTGGGTTGGCTGAAGATCAAAGCTGCAA
TGAGGTGGGGATTCTTCATCAGGAAGAAAGCAGCTGAGAGACGTGCACAGATTGTCGAGTTGGACGATGAA
TAGAACTGGGTTAGTCGGTACAGTTCAGACTGTTATTTGAGCTTCTCACTCACTTTATCATTTCTGTAGATCTTG
GAATCTTCAAGTAACTACTCGTGCACTTTGCGTCTCGCTGGATCAACTCGAAAGGATATCTTTTGTATCTGTAT
AACATATTAACAGCGGAAGCTACACTTGTGTACAGATTCTGTACAGTGACTCGTTCTGTTTGGTAGTGACTT
TATTTAAGATGTTTTCTGTTCATCTTACCTTTGATAGGCCAAGAATATGTTTGC GTTGGCCGGTGACAGGG

TAAATTTCTTATTTTCATATACCCTTTTCTTAATGTTGTTTGATTGATTAGAATCGAGGATTCCTTATAGTTTTCTG
TTGCTTTGAAATGTTTCCAATTACTGTATGAGAGATGGTTCAGTGACTAATGAATAATCCATGTTATTTTTAGTT
GGTTGATAATGCATATAAATATAATTGTTCTGATTTATTTGCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_540 XM_002892437|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ClpP protease complex subunit
ClpR3, mRNA

CTCCTTACATTTCTCATTTCTCTAAGAAAACCTTCAGAAGAAGCTAAAGAAATCCAAGAAAAATGGCCATTGGGA
TGAAGCTCCCCATGGCCGTTACCTTGCAAGCCAATGGCTATGGCTATGGCGGCTCCATCTTCCTCATCTTCT
CTCCATAGAGCCATCAATTTCAGGACTGTTTCCTGCTCAAACGCTACAAGCAAAGCTAAAAATCCTATGCCTCC
AATTAACCCGAAGGATCCATTTCTTTCGAAGCTCGCTTCAGTAGCTTCAACCTCACCTGAAACGTTGCTTAACC
GCCCTGAAAAATCCGATTCTCCTCCTTATTTGGATATTTTTGATGCTCCTCGGCTTATGGCTGCACCTGCCCAAG
TCGAAAGATCAGTTTCCTATAATGAACATAGACCGAGGAGGCCGCCGAGACTTGCCGTCTTTGTTACTTCAT
GGAAGAATTGTTTACATCGGAATGCCTTTGGTTCCAGCTGTTACGGAGCTAATTGTTGCTGAACTGATGTACTT
GCAATGGATGGATCCAAAAGAACCAATATATATTTACATAAACTCCACAGGGACAACCTCGTGATGATGGTGAA
ACGATAGGGATGGAGACGGAGGGTTTTGCTATCTACGATGCTATGATGCAGTTAAAAAATGAGATACACACA
GTAGCTGTTGGAGCTGCCATAGGTCAAGCTTGCTCTATTACTTGCTGCAGGAAGTGAAGGCAGACGTTATATGA
TGCCACATGCCAAAGCGATGATACAGCAGCCCCGTGTCCTTCGCTCTGGTTTGATGCCTGCTAGTGACGTTTTA
ATTCGTGCAAAAGAGGTGATAACAAACAGGGACACACTAGTGAAAACCTCCTAGCAAAGCACACTGGAAATTC
AGCCGAGACAGTATCAAATGTGATGAAAAGACCGTTCTACATGGATGCGACATTGGCCAAAGAATTTGGAGT
TGTTGACAAGATTCTTTGGCGCGGTGAGGAGAAGATTATGTCTGCTGTGGTTGCCCCGGAGGATTGGGATAA
AGGAGCTGGCATCAAAGTTGTTGATGAATCCTAAATCTCCTCTCCATTCATAGCAATTGGCGGCAGAGGAAGG
GAATGCTTTGAATTTACTTCAATATTCCACGTTGGATTACACAGAGTCAACATCATCAAGGGAACCATTATTA
TTCTGCTCCAAAATTAATCCACCCCTCATACCTTACCCATCAAACATACTTTTTGGGGTTTGTGTAACATCTACA
AACTTTCTTTCCTTCATATCCTTTGTTAAATGAAAAAAATATATCTTAAATTANAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_541 NM_115651|Arabidopsis thaliana tubulin-specific chaperone C-related (AT3G57890)
mRNA, complete cds

TCTGATCTCAAAGGTTTTTCTGTGAAGGTGCTTAACAGTCATGAATCTGTAATTTACATATTAGCACCTTTGAGA
TATGCCACAATATATGGATGTTCTGATACTACCATTGTACTTGAGCAGTTGGAAAGGCTGTTAGAGTTGAAC
ATTGTGAGCGAGTTCAGTTAATTACAGTTGCAAAAAGAGTTTGCAATTGCAAACGTGCGAGAGTGTTTGTTTTTT
TTGGGGGTTAATCAACGACCACTGATTGTTGGTGATAATCAAGTTGCAGGTGGCACCCTGATAATACATTTT
ACTCTCAATTGGGGGAACACATGAGTGAAGTTGGGGTTGAGGCAGCTCTGAACAGATGGGATGAACCACTTG
CCCTTGGTGTCGTAGATCCACAGATTCAATATCTCATCCTGCGGGTGTTTCTGATGTTCAAACCTGAGACTGCT
ACATGTCTGGATCCTGACCAGTTCACAAATTTTTGATTCCGAACCTGGGTTTCTGGTGAAGTTCCTGGAGCTAC
CGACTGCAATCCATTCCCATTGCCAGATGCTTATTTGGCATCTCTTGAGAGGAATAAAAAGACCTTGGGGGAA
GTAAAGCAAATACTAAGAGAAACCCCACTTGAAGAGAACCGCAAACGAGAATTATCTTCTGCCCTACATGTAT
ACTTCAAAGATTGGTTATATGCTTCAGGAAACATCCGTCAGCTTTACTGCTGCAAGGTGACTAATTGAATTGG
GACTGACAAAGGTGGGTTTTACGGTCATTTATGATGGTGGTAAAAGCAGGGTTCCTTCTTCTTTTTTTCTTTA
ATGGTTTCTTTATTCAATTGTCAACTAGTTATTTCCGCCAATTCCTTTTTGGTACTCTACTTGCTCTAAGTAGTTG
AGAGCTAAACGCCCTGCACGCGTGGTGGGATCAGGGAAAGAAAAGGAAAAGAAAAAAGATCATTTG
CTAATCTCTCAATTGTAATTTTTATGGGGAAAAAGAAAACGAATAATGTCTCTGTAATATTTTAATTTATCCCAT
GCTTCTTTCTTCCCTCCAGCTTTTCCCTTATTGATTTTTAAGCTAACAGTTGAGTTTTGGTTGTGGTTTGAGTCC
TTAGTTTTCGTTTTCTCCCAAATTCATGGTATTGAGTTGTAAAATGTAGGCTCTGATGAAGCTAAGAATTTA

ATTGAAAGCATGCGTGGTTGCTGTAAAATATAATATGTATTTTTGTAATTGAGTTCGGTTGGCNAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_542 NM_001125539|Arabidopsis thaliana CPuORF25 (Conserved peptide upstream open
reading frame 25) (CPuORF25) mRNA, complete cds

AAGGAACATCAATTATCAGTTCCTCCGAGTTTAATGGAGTTCATCTCTCTGTTGTTATCCCTCAGCCAGTGATGA
TGCAGTCAATCTTATTGCATCACTTTGTTTCATGGGATCCGTCCAAGAGACCAACTGCTATGGAAGCCCTCCAAC
ATCCCTTCTTCCAAAGTTGCTACTATGTTCCACCGTCTCTTCGTGCTAGAGCACCAATTACTCGAACCCCTCCTTC
TGCTGGAACAAAGGATCTATTGGAGCAGCAAAGTCTAAAAAATATCCTGTGGCTTTATCTGATTCAAGAATT
GCTGGTAATTTCTCCTCTCCGAAGCTGCCTGCGATGTTGAGCACAGGTGTGCAGAGGAAGTTGGATCTGATGA
ACCAGGATTTAAATAAGAATGATAAAACCATGAAGAGTACAGTTAGACAACAGAAGTACCGACCGCCTGTGA
GGAATAGCCCTACCAACTCTATGTACAAGGGAAATAACGCGCGTGGAGTTTCAGATACAGGTGAAAAGTTGG
CAAACATGACAATCGCCCTCGCAAGCCGACAATTGGGCAGCTTCCTCGTCCGATGAAAGCAGGTGTTCTGTTG
GAGCGGTTCTCTAGCGATCTGTTGATAAGGCCCGCTCAAGAGTTCCAATCTGGCAACAATTACCCAGGAAG
GTTGCTGGCTGATAGGCCCTTCCTCTCGTTATCTGTTGTTATGGGTTTTTTTATGTTTTTGTGTCTTCGAAGAGA
TCGTATGCAATGCCACCCCCCTCCCTCTGGGAATTTATGTAATAAGTGATGCCTATGCTGACTCAGTTTGTTT
TTCCTGTCTTGTGTTGCTACATACTTACGTTTGCCCTGTGAAATAGAAGATTATCAGTTTATTCTTTCTCTGTTG
CCTTAAAGAAGGCTCCTCCTCTTTCTTGCTAATCATGGAATAAGTATATCAAAATATGTACAAATGTGCAGAC
TACTTGTTAGACCTTGTAAGAAATGAATGGTGAGAAGTCTTTGTGTTTTGAGACGATGGAAGAGTCGTGG
GAAGAGGGTGGAGATGATAGGGCCAAAAATTGTCCAACCTTCCTTTGGGTAAATTGAACAAAAAGTGCCAAAT
ACTGCCTAGCCCCTAACTCAACCCTAACCATTTTAACTCTGGTTGGGTAGTTTATGGTTTATATTGTTAGGGTTA
CTGGGTATGATAGTCCAACCTCTCTTTGTTAAATTCTTCGTAGTTTAGATTGGATATGATTATTGTTGCTATGTT
CTTACACGTAGAAATATAATCATTAAATTCGATATCTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_543 XM_002878754|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADP-ribosylation factor 3 (ARF3),
mRNA

CACCGTAGCGGGAGCAATACGGCCATCCAAAATTTTTCTTCTGTTACCCAAAATTTCCAACCTCCATTTTTTAG
AATTGCGATACCAATTCAAGTACATCACCACCACTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCACTCTGACTCTTCTC
TACAACGCCACTTCTTTCTCTAGATTCTTCTTCAATTCACAATCCTCCCTCATAACAACGCAGGTGTCTATCATC
TTCAATTCCCATATTTTCATTTGCACTTCTCTTTTCAATTTTCATTCTCTACTTGCTTCTTTTTTTTCAGGGATGT
ATTGAGCCTCTGCGTTTGAGATCTGATCCTTTAATCTATCTATAACTATAACCCATCATTTTTTTTTCTTCACATCA
TGGGGATTTTGTTTACTCGAATGTTTTCTCGCTTTTGGAAATAAGGAAGCTCGGATCCTTGTTCTTGGTCTCG
ATAATGCTGGAAAACTACAATTCTCTATCGGCTTCAGATGGGGGAGGTTGTCTCCACTATTCACAACAAATTGG
GTTTAATGTTGAAACTGTTCACTACAATAATATCAAATTCAGGTCTGGGATCTTGAGGACAGACTAGTATC
AGACCATACTGGAGATGCTATTTTCAAATACGCAAGCTATAATCTATGTGGTTGATTCAAGTGATACTGATAG
GTTGGTGGTAGCAAGAGAGGAGTTTCATGCAATACTTGAGGAAGAAGAGTTGCGGGGTGCAGTTGCTTTAGT
TTTTGCAAATAAGCAGGATCTCCGGGTGCACTTGATGATGCTGCAGTCACGGAGGCTTTAGAGTTGCATAAG
ATTAAGAACCGCCAATGGGCTATATTTAAAGCCTCCGCTATAAAAAGAGAAGGTCTTTTTGAGGGATTGGTTA
ACACCCTGAAGTCTGGAGGTGGCTAATTCTTAGCAGCCAAAAATGAATATTTGAGGCACCCAGTTGGAGAATA
CGGTGTTTAAGCGTTATAAATTGCAGGAGAGAACTCATTTGCCGATTGATTTCCAGTTTACTTGTTTTCTTAG
TCACAATTTTTCTTAAGGGAACGAACATTGGTATACATGTAAAATTGCTTTCATTAAAGATGGTGACCACTGA
GTTTTACCGACTATTTTTTTTTGTTTCCCATCTTTAGTTGCTGTGGTTTGAAGCATATTCGTTAGTGTTACATC
ATTTCTGTATCANGGATTGTCTAAAGATTGAACTTTAATCACTATTCCCTTGAAGAGGATATTCTTCTCTGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_544 NM_001056127|Oryza sativa Japonica Group Os03g0255200 (Os03g0255200)
mRNA, complete cds

GGTTTGTCAATTTGGTGAAAGCAGGGTTTAGTTGTTGAGTAGCTCTCTAGGTCAGCGTCTTCCCTATCCTTTTA
GCGCACAAACATTTGAGATCGACCAACCTCAACACTCTGCTTATCGGACCTCCCTCCAATTTCACTTTCACCTTTCA
CCTTTACCTTACCCATGAGCTGCTGATTCTGTGGCTTGGAGAGTACAAACATACCAGTAGTGATACCGTGTGG
CGCTAAGGACAGAGATTTTCATATAATGATTTTGTCTGGATTGAGTGGCAAACCCTCAAATGTTGTCTTCTGAG
ACCTAGTGCCAGGATTCACGTGAGCTGGTTTCATCTTTTCCAATGGGAACCTTAGAGAAAAATATTGATTTGC
AATATCTTAAAAGAAGTTGCTGGACGGGTCTGCCCTTAGATGTAAACTCTCCAGATTCGACACACTACTAA
GTGTGCATTTGATGCTTCTCCGAAGATTTTGCAAATGATTCTGCCGCTGTATCCCTCGAATTAATGTAAGGG
ATCCATACAAACGGCTTGGCATAAGTAAGGAAGCATCTGAAGATGAAATTCAAGCTGCGAGAACTTCCTTAT
CCATAGATACGCAGGGCATAAAGAAAGTGTTGATGCCATTGAATCAGCTCATGATAAAATTATTATGCAAAAG
TTTTATGACAGAAGGAACCCAAAAAATTTGACATCAAGAAAAAGGTGAGGGAAGTCAATCAGTCTCGGGTTG
TGCAGGCTATACGGAGCAGGTTCCAAACACCTTCTACAAAGTTCATAATCAAGTCATCAATTGCATTCTTAGTT
CTTGAGTTCTCACCATTCTCTTCCAACCGAGGAAGGTCCAACCTTCAGGTTGCTATACACTTCTAGCTACT
TTCTATTTCATACATGATCGATTGAAGAGCAAACCTCGAGCATTCCTTATGGGGCTGGAGCTTTCATCTTCTCA
TGGCTCGTGGAACCTTTTTGATGGTATCTGTGATTCCCCAGTAATCAAAGGACTGAGAGGCTTTGAAGTAA
CTACTTCATTAATAACCCATATCTTACCTCTAGGTTTCATCTACATATTTAAAGTACCAAAGCAAAGTTTTTCTTC
TACTGTGACACTCCAATTTTGTGCGGCTGAGCTTCTGATTCAAGTGTCTGCTTCTTGACCCTTGGGTGCGTTA
ATGGAGAAGATAGACGAAATTGAAAGGGTCTTTGTTTTAGAATTGACCGGAATTGAAAAGGATGTAAACTA
TTACAGTTGGAAACCATAGGTTAGCTGTTTGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_545 AY039586|Arabidopsis thaliana At2g38310/T19C21.20 mRNA, complete cds

ATCTATTCGTATTCTTAACTCACACCCTTTAACTTTTCTCTCCATAATCACTGATTTTTAGAGAGAGAGAGAGAG
AGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGATTTTGTCAAGAATGCCTACTTCCATTCAGCTTCATCGACTC
AATCCGGCCGCCAATCCCGCGGTGGCGTCTCCGCAACGACCATGAACTGTCACAGGAGCGCGCGGCCGCA
GCAGTGGCCGTGACGCGGGAGAAAAGGACCATCACCACCAGCAGCAGTACTAGCATGGCCTCTTTGACGGAC
GCGGCTCCAGTACCTGTGCCGGACGCTGTAGCACGGCACCGCGCACGCTCGGACCGGAACAGTGTTGC
TCCGCCGTGATCCAGATCATCGACGCTCCAGTTCATACGGTGTGGTCTGTAGTGCACGGTTCGATAATCCAC
AAGCGTACAAGCACTTTCTGAAAAGCTGTGACGTAATCGACGGTGACGGTACCGTCGGTAGTCTCCGGCAAG
TTCAAGTCGTTTCTGGACTTCCGGCTGCTTCGAGCACCGAACGCCTCGAGATTCTAGATGATGAGAGACACGT
GTTGAGTTTTCGCGTCGTAGGTGGGGACCATCGCTACGAACTACCGATCTGTTACAACACTGCACGCGATT
TCATCATCATCATCTTCTTCTTCATCAAAACAAACGGATCCAGATCTTCAACAGTTGTGGTGGAATCTTATGCC
GTCGATGTACCACAAGGCAACACGAAAGAAGAAACGTGCGTGTTGTTGATACTATCGTACGGTGCAATCTTC
AATCTCTTGACAAATCGCTGAAAACATGGCTAAGACCTCCTAATTATTTCAATTTTAACTTCCATAT
CAATTTCTTCCCCTTCTCCTTCTTTTCTTTTTTGTGATACAAGTGCGGAAGTAGATTTTATTCGCACTATGAATC
ATTAGCCATTATTAACATCATATCTTCATGATTTGCATCATTTTCTTCATATTTAGGTGTTTTTCCCCCTTAGA
AACCGATGTTCTGCAGAATTATGTGCAATGGTTTGAAGGAGAGATTCTGACACCGAGAAAATCGCATCACATG
TCACTTCTTTTCTTGTCTACGAAAAATTTATTGTATGTACAAATTTGTTGTTCTTTTTTGATATAGAATTCTCTC
TCCTGAAATTAGGCTTTGAGTCCGCGGCCATTTGTATTGATTATGATCAATGTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTA
TTAATTTTATGTTGGTTAATACGTAAATGTGGTTATTGTATTTCCAGCTTCATGCATGTGTTGTTT

>trans_s_546 NM_101060|Arabidopsis thaliana SEC22; transporter (SEC22) mRNA, complete cds

TGGCGAGAGCAATGGCTTCATTTTAGGAGAGACTCGATCGGATTCTGAGCTGCTCACACCGTGGTCAGTAATC
CCATCCCATCCAATTCCTGTCCTTTCACGAACCCTAGCTTCTCTTCTTTTCAGATTCTTCATCGTCATCACGGTT

>trans_s_547 NM_116142|Arabidopsis thaliana AtATG18a (AtATG18a) mRNA, complete cds

>trans_s_548 DQ988169|Brassica napus photosystem I P700 apoprotein A2-like (psaB) gene, complete sequence; and photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

CACTTAAATACGTAGTGAACGGGGTACTGTTTCCAGTCCGGTTTAGTATAACGGCCCCCGGTGCAACAACAG
GCACCAAGTTTGACTTGGGGGGGTGGTGATTTAGTGGCAGTGGGCGGCAAAGTTGCTTTGTTACCTATTCCGTT
AGGAACCGCAGATTTTTTGGTACACCATATTCATGCATTTACGATTCATGTAACGGTATTGATACTCCTGAAAG
GTGTTCTATTTTCTCGTAGCTCGCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGTTTTCGTTTCCCTTGATGGAC
CCGGAAGAGGGGGTACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTAGGGCTATTTTGGATGTACAATTC

CATTTCCGGTAGTAATATTCCATTTTCAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTGTAAGTGATCAAGGG
GTAGTAACTCATATTACGGGAGCTTCATTTGCGCAGAGTTCTATTACTATTAATGGGTGGCTTCGCGATTCTT
ATGGGCACAGGCATCCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGCCTGTTTTCTAGGTG
CTCACCCACGCAAATCCCCGACCCGGCACCTCATTAGCGGGCGTGTTATTGGCAAGAACTTATTGAATCC
ATCGTTTGGGCTCATAATAAATTTAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTGTCCAAGGACG
TGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTAGCAAGAATTATTG
CAGTCGGATAATGGCTAGGAGGATTGAAAGGCATTATGGCACTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTA
GCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGTGCACTCCTAGGGACTGCAGTGATAT
TACTGAAGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCATTTCGGGCAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTC
CGGAAATCTCTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAGGACCTTTACATGTAAGACCT
ATTGCTCATGCACGGGTGGATCCTCATTGTTGTTCAACCGGCCGTGAAGCTTTACTCGAGGTGGTGTCTTG
GCCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTATCAGTGGTGGTATACAATCGGTTTACGCACTAATGGGGAAGA
ACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACACATCCCCTCCAGGACGCCT

>trans_s_549 AY094011|Arabidopsis thaliana At1g50380/F14I3_27 mRNA, complete cds

CAAAACAGCATATTTGGATACTTAGGAGAAGCTTCATTCTCTTTATTTCCCGTACTCTACCTTTGCGCGGCACTAC
CGTCGGTAGCTTCATTCCGTCACCTCCGATCACCGGTTGCTACAATGAGCCAATCTCACTCTCCTCCGGTCGCC
AACAAGGTGGAGCATAAAATGGAGTTGTTGCGGAGACGTAAGGATCGACAATCTACTGGTTACGTGACGAT
TCTCGCAAAAACCCNGATGTTCTTTCGTATCTGCAGCAGGAGAATGCCTATACAGATTCCGTCATGTCCGGTG
AACTCTAGTTTACATTTTCATCTCGGTTTTTGAATTTTTTTTTGGTTACTACATGAGAAATGTATGAATCAGTGAT
ATGGTAGCATTGATTTGATTTGAATGAGAGTACCGTCGTTTGATTTATCGATTGCGGATGATTTGTGTGAATG
TGGATTTTTTTTTATTAAACGATCTAGGAACAAAGAAAGTGGAACAGCAGATTTATAGTGAGATAAGAGGACG
AATCAAGGAGGATGATGTAAGTGTGCTGAGCGGAGAGGTTCTTACTATTACTATGAGAGGACTTTGGAAGG
GAAGGAATATGTTCAATATTGTAGGCGTTTTGTTCTCGTGGTGAAGAAGAAGCTATCTCTGTGCACGATACC
ATGCCCCTGGACCTAATGCTCCTCCAGAGCATGTTATATTGGATGAAAATGTCAAGGCCGAGAATCAATCTT
ACTACTCCATTGGTTGCTTTGAGGTATCGTAAAGACGGAAGTCTTACAGAAATTTGATCATGTTTTCTTTGGAC
ACAATTTTGATTCAAGGATCTTTATTGTCGTTTCTATCCAGGTAAGTCCAAACAACAAGCTAGTGGCGTATGC
AGAAGACACTAAAGGAGATGAAATCTATACGGTTTATATAATCGATGCCGAGACTGGAGCTCCTGTGGGAAA
GCCTCTTGTAGGTGTGACCTCGTATCTCAAATGGGCTGGTGATGATGCTTTAGTTTACATCACAATGGATGAG
ATTCTTCGACCTGATAAGGTGATTTACTGATTTTCTACCCTACATTCTGTACTTCTCATGGCTTTGACTGTTGTCT
CATGAGAAAAACAATTACAATCATGGGGCCTATAACACGTCTCTTAAGTGGGATTGAAATACAAAGAAGACCC
AATAAGTAAATCAATTTTAATTATTGTTGATTGTTCTGTGCATTCAAATCGCCTTCTAATGATATAGTAGTT
ATTTAACTAAAACGAAAATACCTTACATACCATTACAATAGCTTGCACTTCCTCTAGTTTCTCATTT

>trans_s_550 NM_001066670|Oryza sativa Japonica Group Os07g0587100 (Os07g0587100)
mRNA, complete cds

ATTGAAAATTCCACGGCTTGTGATCCTATTACCTTTTGATCAATAATTAACCATAAACGATCGTTAATCAATG
CTAAACAGTCAAAAGCCGGGCCTTTCCGGTACCATAAAAGGTTTAAGAACAATCCACCCGTTATCCCTGATGA
GTCTGTCAATCCAAGATTGGCAAAGATATTGGAGAAAGTTGCTATTAATAGAGAGCTTATAGTTGCGGTAGCC
AATTCAAATGTGAAGGCAATGTTAGAAGTATGGTTCACTAGCATCAAGAAAGCAGGCATTCTAATTATCTTG
TGTTTGCTCTGGACGATGAAATAGTTCAATTTGCACTAAAAATGATGTTCCAGTGTATAAGAGAGACCCTGAT
GAAAAAGTTGATTCAATTGGAAGAACAGGAGGGAACCATGCTGTCTCGGGGACAAAATCCGCATCCTGAGG
GAGTTTCTGCAGTTGGGATATGGTGTCTTACTATCTGATGTAGACATTGTTTACTTGCAAAATCCTTTCAATCAT
CTTTATCGGGACTCCGATGTAGAATCAATGACTGATGGCCATGACAATGCTACTGCTTATGGATACAACCATGT

CTTTGAGGAACCTGCAATGGGTTGGGCTCGATTGCGACACACGATGCGTATCTGGGTTTATAACTCGGGCTTC
TTCTATATTAGACCAACTATTCTGCAATTGAGCTTTTAAATCGTGTGGCTAACCGGCTTTCTCGAGAACGAAA
CTCCTGGGACCAAGCTGTTTTCAATGAGGAACTGTTTTCCCTTCGTCATGCAAACCTACGAGGGGCTTTACGCTT
CTAGGAGAACTATGGATTTCTATCTTTTATGAACAGCAAAGTTCTATTCAAGACTGTAAGGAAGGATGATAAT
CTGAAAAAGTTGAAGCCAGTCATTGTTTCATGTGAATTACCATCCTGATAAGTTTCCTCGAATGAAAGCCGTGGT
CGACTTCTACGTCAATGGAAAGCAGGATGCACTGGATCCTTTTCTGATGGTTCAGATTGGTAAAATTCTTAAT
TTATGCTTTTGCAGATCATAGGATTTTACTTGGACAAAACATTGGGCTCAAAAAACAGCAAAGTTGGATGGTCTA
ACAAACCTTGAGGTCAATTGAGGCTTGAGAGGATCCTACTCTTTTACATCAAAGTGATTATTGTTGTCTTCCA
CATGATTTTTTTGTAAGTCTTTATTTTATAAAAGAAGGAAAAAGGAAAAAGAATACTCAAGAAAGAAGAGGCCTT
CTTGTTGTAAGTTGTATCTTTAAAGAAATTTCTTAGTTTTGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_551 HM122495|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L21)
mRNA, complete cds

ACACCATATCTTCCATCCCACCACATCCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCATTTATTTCTCTGTGCGAA
TCTTACCCACTCCATAACCAGTAAAGGCTATGGAAACCCACCTCCCTCTTCTCTGCCCCCTTCTCACTTCTACACTC
TGCTTCTCACTGCCGCTGCCATAGCCTTCAACGCATAGCTTAGCCCTTAAGGGCACTCCAGATTCTTCAACCCTC
ATATAAGGAAAAAGAGTGATTCTTTGTTTTTGAAGCCTCTGGTCTTTACTTTCAGCGCTATTATCCAAACAT
GGAAACTTTAAATTTAAACCTCGAAGCTGCAAAGACTCAGAGCCCAGCAGCAGTCAAGAAGCAAATCCTGAT
CACTCCAACACTGCCACTACCACTTCTTCTGTTCAACAAGTTTGAGTAAAGTAGTCGTTGCTGATACAAGTCCC
CTTTCACCTGATTTGACACTGCAGTTTAACTCCAACGATATCGATTCAAAGGGGGGATGGCGAGATCAATGGGG
AAACAAGCAGTAACAAATCTCCATCTTCAACAATACCAAGAGTTTTCTTGAATTACTGTGACGCAAGTTC
TTTAGCTCGCAAGCACTTGGTGGGCATCAGAATGCACACAAAAGGGAAAGGACAATGGCTAAACGTGTGACA
CGGATGGGAATGTTCTTCGACAGATACGGTAGCTTGGCTTCTTGCCACTCCATGGCTCAGCTCTTAGATCCCT
TGGCATTGAAGCTCACGGTGCTCTACACCAAACAGTTGTAGCTTCAGATCAGAGGCCTTATCCTGGTAGGAGT
ATCGGAGCAAAGTTGAGCAAAGCTCTTTTGGGTTCCCAACATTCATCGAGGACTACGATGATGATGTAGGGA
TGTTTTGGCCCGGAAGTTTAGGCAGGTGGCTGCCAAAGTTGATAGCAGCTTAGGTCTTTGAAACCCCACT
TCAAAATTCAAATCCAGAGTTTGGGAAACAATGCCTCCACCAAGAACAGGAGCAACATCATCACCTGATCTC
ACTTTGAGGCTTTAGTAAGTAATTTTCTTCTTTGATGCCTTCTCTTAATGTATCAACTTTTGAAAGTGGTAT
GATGTCTGCCATTGTCTGCCATCTTTTTAGTGGCTCTAAGCTTAAGAATTATTGAATAAATCTTCATTTTTTTTTT
TTCTCATTACCTTTACCAATATCCAAGTCTTAGCTTTTTGGTCCCTTGATTCCTTTTTCTTCCAATTTTTGTCCAT
GAATTCCAAAAGCTTCTATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_552 XM_002865785|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein 93-V (CLPC),
mRNA

ATATTGTTTCCTCCTGGACTGGCATTCTGTTGAGAAAGTATCTACCGACGAATCTGATCGCCTCCTCAAACG
GAAGAGACCCTCCATAAGAGGGTTATTGGTCAAGATGAAGCAGTTAAAGCCATCAGTCGTGCCATACGCCGA
GCTCGTGTTGGTTTGAAGAATCCAATCGTCCAATTGCTAGCTTTATATTTCTGGTCCAACCTGGTGTGGTAA
ATCTGAGTTAGCGAAAGCATTGGCTGCATACTATTTTGGGTCTGAAGAAGCAATGATTCGCCTTGATATGAGT
GAATTTATGGAAAGGCATACAGTTTCCAAGCTCATTGGTTCCCCTCCTGGTTATGTTGGTTACACGGAAGGTG
GTCAATTGACAGAGGCTGTTGACGTCGTCCATACACAGTAGTGCTCTTTGATGAGATCGAGAAGGCTCATCC
TGATGTATTCAACATGATGCTTCAAATTTTAGAGGATGGAAGATTGACAGATAGCAAGGGCAGGACTGTAGA
CTTCAAAAATACACTTCTGATAATGACATCAAATGTGGGAAGCAGTGTTATAGAGAAGGGAGGTCTGGAGAAT
AGGGTTGACCTTGATTATGACGAGAAGGATAGTAGTTATAACCGAATCAAGAGCTTGGTGACAGAGGAACT
GAAACAATACTTCAGGCCGGAGTTCTTGAATAGTTGGATGAGATGATTGTCTTCCGTCAGCTCACAAAATTG

GAAGTGAAGGAGATTGCGGATATAATGCTAAAGGAGGTGTTTGATAGGTTAAAAGCGAAAGAAATTGACCTT
CAAGTGACAGAGAGATTTAGAGATAGGGTAGTGGAGGAAGGATATAACCCAAGCTACGGTGCGAGACCTTT
GAGAAGGGCAATAATGAGACTTTTGGAGGACAGCATGGCAGAAAAGATGCTGGCAAGGGAGATCAAGGAG
GGTGACTCGGTCATCGTGGATGTTGATTGCGATGGAACGTTACAGTACTCAACGGCAGCAGTGGTGCTCCC
GAATCCTTGCCAGATGCCATCCCCGTGTAACTACTCCATTTTATTACGTAGAGATAACATTCTTACTAGCTCAT
AAAATGTATTTCCAACCTTCATCTTATTTAAATTAGTAGGCTGTACACTCGAGACGAAAAAAAAAAGAAATTAAT
GTATTGTAATTTGCTTTGTCAGTGGATCCTTGCCAATTGTCGATTTGGTTATAGCTGATTTATGTTTATTGCTCCT
GTACACTCTAGCTGGAATATTCAGAAGAAAACAAAAGAATCTACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_553 GU142863|Gossypium hirsutum potassium transporter (KT) mRNA, complete cds

TACCGGAGATCAATTGGACGTTGATGCTCTTATGCTTGGCTATTACCATTGGCTTTCGAGACACAAAACGCATG
GGCAATGCATCAGGCTTAGCAGTGATAACTGTTATGCTGGTGACTACCTGCTTAATGTCTGTAGTCATCATCTT
GTGCTGGCATAAAAGCTCTGTCTATGCCATTGCCTTCATACTCATTTTCGGGTCCATCGAATCACTCTACTTTTC
AGCATCTCTCATCAAGTTTCGAGAAGGGGCTGGGTCCGATCGCCCTCTCACTCATCTTCCTAATAGTCATGT
ATGTATGGCATTACGGAACATGCAAAAAATACGAGTTTGATGTTCAAACAAAGTGCCATCAACTGGCTCCT
AGGCCTAGGTCCCAGTTTAGGCATTGTGAGAGTACGTGGGATTGGCCTCATATACACCGAACTCGTCGCAGG
AATCCCCGCTATCTTCTCCCACTTCGTAACAAACCTCCCCGCCTCCACCAAGTCCTAGTCTTCTCTGCATCAAA
TCCGTCCCAGTCCCACACGTGAGACCTGGAGAAAGGTTCCCTAGTAGGCAGAGTTGGGCCAAAAGAGTACCGT
CTCTACCGATGCATAGCACGATACGGCTACCGTGACATCCACAAGGACGACTTGGAGTTTGAGAAGGACTTG
GTATGCAGCATTGCAGAGTTCATCCGTTCCGAGAAATCAGAAACCAGTGTAAGCTAGAAGATGCAGAAGAA
AGTGAGAGAATGACAGTAGTAGGGACATCTTCAACAAATGTAGATGGAGTGAGAATGTGTGAAGATGAAGG
AGAAACAGCAGAAACATCAGAGGTAAGAGAGATAAAATCACCAAAAACTGAGGAAAAGAGTGAGATTTTC
TTGTACCAGAGAGCCCACAAATGGAATGGAAGCAAGAAGAGAGCTTCAAGAGCTAATGGAAGCTAGAGAA
GCAGGAATGGCTTTCATAATGGGACATTCATATGTGAAAGCAAAGAGGGGATCAGGTTGGGTGAAGACAGC
GGTGATAAATTATGGGTATGATTTTTTGAGAAGAACTCAAGAGGGCCAAGTTATGCTTGGAGTGTCCTCAT
GCATCTACTTTAGAGGTGGGAATGGTCTACCAAGTTTGAATTTGTTTTACTTTTAACTTTGTGCATTCTCTGGT
CTCTCATTGTATATAATAAAAGCATTTTTGTCCAAGCTTTCATCTTCTTTAGGTTACTTTGGATCTCACTTCT
TGTAATTCTATAACTAAAGCTTAAACTTGCCCCCAAATAAATGGAAATAAATGGGCACCTTTTTTCTTTT

>trans_s_554 XM_002873778|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WD-40 repeat family protein,
mRNA

TAAGTACATTGGGATCTGACATATCTGGTGGATCAGTTTATATTCTTAATCTCATTGAACCATTGGATTTTAATC
GAACTATTCTGTGATTAGACGAAGGACATGAGGTTGCTTCTTTAATTGTTCCATCTGGACGGCTGATTGTCA
ATCTAGTGGAGGCAGAGCTGTGATTGGGACAAACATGGGAGCTGCTTCAGTTGATATGGGAACTGGCAGGAT
ATCATGGATCTTACATGGTAAAAGTGACATTTTTGCGCTACAACCTCATTTCGGAATGTTGTTCTGTGTG
GACTTAGAAAATGGCATGATTGTGACAATTGATACTCGTGAAAGACAGGAAGTAGCTAAGAGACCTTTAAGGC
ATCGAATTCCTTACTTACCACTTGATAGAAGAACTCCAGAACGTCTCTCAGCAATGGTATAAGCTCACTGGT
AACATTTTTCTTCATGTACGGTTAAATGCCCTCATCTATATCAAGCTTGGTGTCATTTCAGTTTGATGACCGA
TACTTTTTGGCAAGCTCCATGGATGGATCGGTTAACTCTATGATCATCGCCTTATCCAGAGAGGTGCTGTACA
AACTTACGATGGACATGCAATTCACATACTCATGTACAGCTTGGAGTTGATCCCACCGAGACGTTTGTACAT
CTGGTGGAGAAGACTGCAATTTTCGTCTATGGAATATCAAGCTTGGAAGCTGATCTTTGAGGATAAGTTTGG
TGATGCTGTTCCCTCAACCATATGCTGGCGAAGGGCTGGAAGATTTCCAGGAGGGCAGAATGGATACCTGGG
CTGCGAAGCTAATTGTTCCGGGAGCATGGCTTGGGTACAATGCGGAATTCATTATGTGAAGTGGCCGAGGAC

ATAAGTGAACAAGAACTTGCACGAGGATATCTGGCCAGCTTTCCCAATTTGTCATACTCTAACCTTCAAAGAAG
TTCTGCTTTTACTTAGATAGTTATGATTCAGTTATGAATCAGGAAGTTCATCCGGCAGGCTTTAAAAAATA
TTATTTATATATAAATCATATTGTTAGGTCATCAGCGATTATTTTAAATTATTTTTTGTCTTGTATTTGTAGTAT
TCAATGCACCACACATTTGTTGATGTAAAATAGTACTCCTAGATTCAAGAATCCCTATTCAGTCGGTCAGGTAG
AATTCGTATTTGTATATTAATTTATTTTTATGTTTAGCTTGTTCGTTAAGATGATGCTTTCTTTTCTGGTTCACC
GTTCTTAATTGGATTATAATTCTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_555 BT010712|Arabidopsis thaliana At1g20770 mRNA, complete cds

AGGCTCTAAATATATATTATATTTTTTTTTTCGTTTTAATGTTTTTTTACCATTAAACGGAAGTTCTTTTTACCCGTC
GACTGCGCAGCAGCAAAGGTTCTTCTACTCCTCGATACTCGTTGTCTTCCCTCTCTCCTTCAACCCCGATCTTC
GACGCTCGCTTCTCGCCGTTTCATCCCCGGTTTGATTTCAAATTTGACGCTTCAAATTTCAATTCGTATCCTTGTTT
CTAATTCCTCGTTCTACTTGAAGTCATTTAGTAGGCGCAATGCATTTGATCTTAATCCGAGGTTCTGTTTTT
AGAATCTGATGAACTTTCGATGAAGAAAACCAAGACCGATTACTGGATTCCGAAATCGAATCGGAGGAAGA
AGATGGAGTTGAAGAAACGCAGCAAGAACAGCAAAATCCCCAACGTCAAGATCAAGAACTCTGTTTGCTCCA
ATTTATGGACTCGACGGATGATTATCTGAGTCTCCTAGATGCATTGTCCACAACACTACGAAAGGGATGGTTT
GAGCTGGCGAGCGCAAGACATTCTATGGGTACTTCTCGCATAAGCACTGCATTACTGGACTTGAAAGTCCATT
CTGCCGCTACATCGCTGAGGGTGGACGAACGAGATGATGGCTCTATAGGAATGCAGCCATTCATTAACCTGA
GGAAATGGACATCCTCTGAAGGTGGAGAGTGTTTGGGGGAAGAAAAGTACAACGACAAATTGCAAAGGGAA
TCTGATAGTCCACAGCTACGGCAGCGCAACGTTTCTGATCTTCCGATAATATGGGGAAAAGTTCTTTAAAGA
AAGAAGATGCTCTCATCATTGATGATCAGGTACAAAAGGAACGATCACGGACACTTTCAACGTTTGAACTCT
AGTTTCCCCGAAGCTTCGATTAGCTCAACTTTCATTTGAAAATGCACTTGAAATTATAGTGGGAATTGCAAATA
AGCGTATTGCAATGTTATCTTCCTTTGATAAAGTCAAGAAAGGATTGGAAGACACACATCTCCCTTCAAGCAA
GTGAAGCAAGAATTGGAAGAAAACCAAGTAGGAACAATCATTTGTTGCCCTTCTGGTAACTTTGTTGTAAT
TTCCTCAAAGTTAGCTATGCCAGTAGGTGGGATGGGATGCCCATAGTTCAAATTAATGGACTTGTTTAGTTTTT
TATTGTCGATCTGCTTCGCAAGCGTGCAGCACCTAATATATAAACTTTGTATTCTTCAAAGTCTAACTTTGTAT
TCTTCAAAGTCGCCGCAGAAATAAATTTATTTATACGACTAANAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_556 U56141|Arabidopsis thaliana EMB30 gene, complete cds

TGGATCTGTTGATTGTTTAGGACGGTGGGCTAAGGAGGGTTAGGAAGCTGCAAGGGAGGAGGAAGCCATTA
AAATGTCACAAGATATTGGAGACATGTGGCTGAGGCTTGTCAGGGTTGAGAAAAATTTGCTTGACCAAA
GGGAGGAGGTTAGAAACCAGGCTCTATTGTCATTGCAAAAGTGCTTGACAGGTGTTGATGAAATCAGCCTTCC
ACATGATTTGTGGTTACAGTGTTTTGATCTCGTGATCTTACAATGCTTGATGATTTATTAGAAATTGCACAAG
GACACTCTCAGAAAGATTACAGAAACATGGAAGGCACGCTGATCCTTGCCATGAAACTCTTGCCAAAGTGTT
CTTACTGTTGCTCCAGGATCTTCTCAATTAACAACCTTCTGCAAGCTATGGCTTGGTGTCTTAGTCGAATGGA
AAAGTATGCAAAAGCTAAAGTTAGAGGAAAAAGAAGCGAGAAGCTTCAGGAGTTGGTGCCTGAACTCCTCAA
GAATAACTTGCTTGTTATGAAAACCAAGGGGGTGCTAGTTCAAAGGAGTGCGCTAGGTGGAGATAGCCTGTG
GGAACTCACATGGTTGCATGTAAATAACATTTCTCCCTCGTTGCAATCGGAAGTCTTCCCCGATCAAGATTCCA
ACCACGTAATTGGTCAGGGTGAAAAAGGTGGCCTAACTTCTAGTGAAGCAAACTCTGTTTCTTCAACTGAAAA
GGTAGCATCCGACAATGCTGGAAGTGGAGGGTAGGGTTTATTCAAACAGAAATCTCAGCTTCTTTCGCCAAGT
GATGTCGCTATGCATATACTTGACCATCAGGATTAAAATTTTTGTCTAGAATTAGTCTGTATCCATCCAGATAAT
CTTAAATTTACAGAATGAGATGGGGCACATCATTTCTATACTTGGAGCTTGCTTTGTTACAAATAGAGGGAGG
TTATGAAGTAAATTTGTGTCCCGGAACCGCCCCAGGTATGCTTTATGAACTTCAGGCTTTTCTCTTTTCGGA
CAGGTGTTTCTTCTTCTATATTCTACAATCTTGATCACAGAGTTCCAGAGTTTGATTTGTCTATTCTAAACC
ATGATGTTTGTTAGTGTTGTATACGTATCATCGTATGATCAGGCATAGATTCAATCTTCTATCTTTTCTCTTC

GTTAACATTCCGAATTCTGGAAGCATACTATCATTCATCCTCGAATGAAGCATGTACTTACTATTATTTTGTATT
ATCTTTGCTGAGTAATGTACAGAATCAAAAAGTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_557 XM_002865015|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aldose 1-epimerase family protein,
mRNA

ATATAGATAACAATGTCGATATCTTGCATGAAAATTGCCCTCCCCACCCAATATTCTCCATGCGTTCGTCCAGCA
AATCGTCAAAGATACAGGGGTGTTGCTGTTGCAAGTCTGAGAGGAGATTTTGCTACTTTGGGGGTGAGTGTT
ACTGAAGGCGAAGGAAATTTACCCAAGGTTGTGCTCACTTCTCCGAGTGGCAGTGAGGCTGATGTATATTTGT
ATGGAGGATGCATTACATCTTGGAGACTCGCTAATGGGAAGGATCTCCTGTTTGTTGCCCCGGATGCTGTTTT
AACAAGAAGAAACCAATCAGTGGAGGCATTCCACATTGTTTCCACAATTTGGACCTGGCCCTATTCAACAGC
ATGGATTTGCAAGAAACGTGGATTGGTCCGTCTTTGATTCAGAAAAGTGTGAAGGCAACCCAGGTGTAACCTCT
TGAATAAAGGATGATTCTTATAGTCGTTCCATGTGGGATTTGAGTTTTCATGCTCTGTACAAGATTATTTTGA
GTGAAAGGAGCCTTTCCACTGAGCTAATAATTAAGAATACTGACAAGAAGCCATTTTCATTTACTACGGCATTG
CATACATACTTTTCATGCTTCTATAAGTGGAGTAAAAGTTAGGGGATTGAAAGGTTGTAACATTGAACAAAG
ATCCAGATCCCACCAATCCATTGGAGGGTGTGGAAGAAAGCGACGTGGTCAGCTTTCCTGGATTGTGATTG
TGTTTATCTTGATGCACCTGGAGAATTGAATCTGGATAATGGATTGGGTGACAACATACTTATCAGCAATACA
AATTGGTCCGATGCAGTGTTATGGAACCCACATTTGCAGATGGAAGCATGCTATAAGGATTTGTTTGTGTTG
AGAATGCTAAGATAAGGAAGGTCCAGTTAGAGCCTGATCAATCTTGACAGCGACGCAGGAACCTAGAAATTG
CATGAAACATGAACAAAGGCTAACCTGATATTTGAATCCCTTCATTATCACCTATTTTGTGTTGATTCTCAAGTT
TTTGAAAGCCTTGAATAATGGGATCCTTTTGTAGGATTCTGTGCTTCTCAAATTTACATTGGCAACACTACATC
CAAGTGAACAGTGTAACCTATATGATACTATAAGGTGCTTTTGTGAAAGCCTTTTCTGATGAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAACTTTATCAACCCCCCAACCCCA

>trans_s_558 AF446361|Arabidopsis thaliana At1g12650/T12C24_1 mRNA, complete cds

AGGTTTGCTTTTGCCGCCCCGATTTGCCTTTGCCACCTCACTCGTCTTTTCTTCTCCTCAACGTCCTCATCTCC
GGCCACCGTCGACTCCTCCTCAGTGTTCTCATTGGTCGCCAGTCGAGTTACTCCATCATACAGTCACCGTTCGT
CACTGTTTCGGAGCCGCATCGCCTTTAGCCTTGCTCTTTTCTGACCATTACACCTCCAATCTTAGATTAGGGGCC
AAATTGAAGTGGGGAAAGCGTATAATCCCAGGGGATTGAGTCATTAATAATCCAATATTATCAATCTTCGGAT
TGGAATGAAGAAATACAGTAGTCTGTTCCCAGCTCTGGCAAACAAATCATGGAGGAAGAAAGTGAAGATCT
TGAATCTTCTCCTCAGATGAATCTCTTGACTCGGAAGAGGAGAATATAGAGCGTGAACCTGCAGATGTAAC
TTTGAAGAGTTACAAAGAGCACGGTCTGATGGATCACATTCCATGTACCAAAGACCAAACAAGAGAAGAAA
GGTGGGCGGGCGAACAAGAACAGGCCAATGGAGGTTAGCAGCAGGAAACCAGTTAGTAGGTTTAGGGAGG
TCATTAGGCTCCAAAACATATGGTACGTGATCCACGTTTTGAATCTTTATCTGGTACTCTTGATGTTGATGGAT
TTAAGAAGAGATATAGTTTCATATACGAGAAAAATCTTCCCCTGAAAAAGAGGAACTGAAAAAGCAGTTAA
GGAAAACAAATGATCCAAATGTTGCTGAAGAACTAAAAAGCAATTATCTTGGATTGACAAGCAATTCAAATC
CGATTCCACAAAACGTGTTGATGCTGCAATTCTGGCCAAACATAAGAAGAAAGAGAGAGAAGCAGCCAAACA
TGGGAAGAAGCCCCTCTATCTTAAGAAATCTGAAATTCGAAAGCAAAGGCTTGTGAAAAATACACCAATCTT
AAGTCCACTGGGAAGCTTGATGCTTATGTGGAAGAAAGAGGAGGAAAAATGCTGCAAAAGATCGTAGATA
CATACCATATCAAAGGTCTAGTAAGCTTGATGAGCAAGATTGAAGGTTAAACAGGTATTTTCATGCTTGCTTT
AAGGAGATTCATGTTCCATATTTTTTTTTTAAATTTAGCCTCACCAAGATTTTACTTGTCATTTCTGGGTTATT
GCAGAAGCAGGATAGAGATAAGTTTTAATTTGTTATAACGTCATGTATTGCTTGATATGTAAATCTGATGCTAG
ATTCCCAAAATTTGAAAGAACTTCTTGCCTTCTTTAGTTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_559 NM_120911|Arabidopsis thaliana HEMC (HYDROXYMETHYLBILANE SYNTHASE);
hydroxymethylbilane synthase (HEMC) mRNA, complete cds

CTTCTTCTTCTTCTTCTCATCTCTCTCAATCTCAAATAAACTCGCTCAAATGGGTGTTTTATCTTCCCCTTCTGT
AAACCACTCTCCAATGCCTCGCCCTTGTAATGTTGGTTCCTTTCTCTTCTGGGTCTCTTCACTTTCCCTTAA
CCTCCGGCTTTCTCTAATGGCGCCAAGAAGTTTCATGGGGATGGTCTCATAAGAGCTTCTGTTGCTGTGGAGC
AGCACGTAGAGAAGACCAAAGTTGCTCTTGTCAAAATTGGCACCACAGGAAGCCCATTAGATCTTGCCCAGGC
TCATGAGACCAGAGACAACTCATGGCTTCCCATCCCCAGCTGGCCGAAAATGGGGCCATTCAAATTGTTGTA
ATCAAAACAACCTGGTGACAAAATACTATCTCAGCCACTTGCAGATATTGGTGGGAAAGGCTTATTTACTAAAG
AGATCGATGATGCACTTATAAATGGTGACATACACATTGCTGTTCACTCAATGAAAGATGTACCAACTTACTTA
CCCGAAAAAACCATCCTCCCATGTAATCTCCGAGGGAGGATGTCCGCGACGCATTCAATTTCTCTGAGTGCAA
GTTCACTTGCTGAGCTTCCAGCTGGAAGCATGATAGGTACAGCTTCACTGAGAAGAAAGTCTCAGCTACTGAA
TAGATATCCATCCCTCAAAGTGCTGGAGAATTTTCGGGGCAATGTCCAAAAAAGTTGAGAAAACTGAATGAA
GGAGTGGTCCAAGCAACACTGTTGGCTCTAGCTGGACTTCGGCGTTTAAATATGACAGAAAAATGTTACTTCGA
TCCTTTCAATCGATGAAATGCTTCCAGCTGTTGCTCAGGGAGCTATTGGGATTGCCTGTGCAAGTGACGATGA
CATAATGGCCAATTACTTAGCCTCATTAAACCATGAGGAACTAGACTGGCTGTTGTTTGTGAGAGAGCTTTTC
TTGAGACTCTTGATGGATCTTGCCGAACCTCAATAGCAGGATATGCTTCCAGAGATGAAGATGGCAATTGTAT
ATTTAAAGGGTTGGTGGCTTCCCCAGATGGAACCTCGAGTCTTGAAACTTCTCGACGAGGTCCATACGCCATT
GATGATATGATTGCGATGGGGAAGGATGCTGGCCAGGAGCTTCTTCTCGAGCAGGTCCCGGTTTTTTTGATA
GCTAGTTAGTTTAAACATAGGATTTTAGGATAAGGGCAGAGAGAGAAGAATCAGGCTTCATATCCAAATCTTTC
ATTGAGTAGGAGTTTTATTCATCGTTTGTGATGAAAGTTGGTGTATTTTAAATATGATTTTTCCCC

>trans_s_560 XM_003083159|Ostreococcus tauri Peptide exporter, ABC superfamily (ISS)
(Ot15g00640) mRNA, complete cds

TCTCAAACAAATCTGGTCTGTCCAATCAAATGTGGAGAGGTAAAGCCAATGAGTTTTCTTTTTGATAGTGGTG
ATAGCAGTAAAATTACAATGATGTTCCACCACCTGGCTGATTATGTTTTGTCTGCTTAAGTAGCCACTAAAGTT
AGTGTTTGATTCACTTTCCAAGTGGAAGGGGGATTTCATGTTCTACTAACACTGTGCTAAGTATTCATTCGTTA
ATCGCATTGTTGAAATGTTATTTTCAGTTCATTGGAAGCTACTTGAGATCCCACAATCATGGTTCAAGGTAGGGA
CACAAATACTTATAAACAGAAGATTTGTCCTTAATGGCTAACTGCTTTTTACTGTTAGGCTTTGATTGTCTGT
GACCACAGAACTATGGAAAGAGAATCACTTCAATTACAAATTTACTTTTAAGATTCTGATGAAAAGCTCATTT
CTATTCTGTTTTAATATGAGTTGTGGATAACTATGTTTTTATCCTTAGAATATTCTCAAACCAATACATTTACAT
TATAGCTTTGGCTTTGGTTTCTTGCCCATCTTTGTGTCATGTCACCTCCACATGACATTTTTTAAATCTTTTGGA
ATCCTTCTTTTTGCCTAACTCACTTTGGCTTACCAATTCCAATGGAAGACTCCACATGGCAATAATTTTGAAAAG
CATGTTAAATTCCATGCATTTGTGGTATGTGTACATTGAACTCATGCACTTTAGATAAGTTTGTAAATTATACGT
GTGAATCGAATGTTTAGGTCTTTTTCGTGAAGCAAAAACCTTGAAATATAGATAAACCATCATTCAAATATGTGG
CTATGTTGATTTGATATTCATATCCTTAGGTTATATTCTATATCTGTTCTTTATTCTTATGGTTCTTTCACTAGTAT
ATGCTAAAGACATGCTATTTTTCAAATCATTGGTCAAGTAGTGAATCCAATTAGTGTAGAAAAGTGCTTCTAAA
ATTTCACTATTTGCAAGAACATTCTTTGCTGTTGTTTGAATATTGTTATGTTGAGCAGTGGAGTTCGTTTTTTA
ATTCTTTAGTGAAAGAATAATCTTTCACTTCGGAAACTAGCTTTTAGTTTTCTTATCCATTTTCTATTGTCTTGG
TATATAATATGCATCTTTCAATTAATTTCTTTTGTGGGTTAGGCAGCTAGGTATTATGTTATGCTGGAT
TAATCAAACCTTTGCATATATAGATCCATATTCCTTTGGATGAGTATCTTCTTTTATACAGTGCCCTTTGGCCTAA
TAATTTAACTATACAACATGGTTTACCGAAGACAATTTTAC

>trans_s_561 NM_001187054|Oryza sativa Japonica Group Os04g0476400 (Os04g0476400)
mRNA, partial cds

ATTCTCTCTCTCTGGCGCGCGCGGTTTTCCCGGTTCTCGGTTTCGTTTGGTTCCCGCCGTCGACGTCCACAT
TTCCGTTATCCGGCGAGTTGTTCACTGCATCTCTTTGTGGCCGCCGGGTTGTTCCATGGCTTGGTACGAAGGCG
TTGAGGAAACACGTATCCTCATTGCTCCTGATCATGGGGTCAAAGAAATTGGTACTGATGCTTTCTTTCACTTC
GCCATCCGAAATCAGGAAACCCAACATGTTTCTTATATGTAAATGAGATGTTAGAGGAAATTCAGTGGTTCAA
GCAGTCATATTCATCGTGGTTTTTGGGAGACTATGTTACTGAAGATGGCCGTCTGTATTCTGCCACCCCAGTAG
ATCCTGTATTCATTTTCTGCCCATTTTTGAGGAAGCTAGAATGAAGAAGGGGGATGATCCTGGGAAATTCAG
GCAGTTAGATGACATAATGTTCAATCAATGGGTATCCTGGATATCTGCATTTACTGTCCCTTGACAGAGACGTCTA
TGCAAGTAGTTTGTGAGGTCAAAGAAGTCGGATCATCTAGGTTTTTTAGGCTCGATGATTCAAAGGTATTGGC
ATGGTTATATCACAAGGTATGCCAACTAAAAAACTCTATGCACACTGGATAAAAACTATGCTGCAAGGGAA
GAAAAAGAAACATTAAGCGACGCCGTTTCGATTTTAGGGGAATACTTGAAGGATCAACCTTGGTTGAAGCTTT
TATGTGACCATCTCAAGTTAAATTTTTGCTGAAGCAACCAGAAAAGCATCGGATTCGAAAAGGCTCCTACTAG
CATAGAGAACAAATTTGATTCTATCTCACAGGATAAGAGTTGGAGTGACGCAAAGAATACAAGAAATGGAAA
GCAAGCAAAGAAGCCTAAGGTGGAGACAGAATCACGGAACATCAAGGACATGTTTTCAAAGGCTGCAAAAA
GAAAAAGATGAAGCATTTAGATATGTGATGATTTAAAGCCAACAAATTAGGTCCTTGACATACTCTCTCATTT
GTGCCACAGCAAGTCAATTTGGTAAAGCATTAACTTACGCCTACACATGCAATGTCTCTCCCTTTTACTTTCTT
ATCAAATAGAAGAAAAGTGATTCTCACTTTACGTATAGGTAAATGAGGCAATCCATGGATGGAATGGTATATT
TATCGAACTTACTAAAGGAAAACTTTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_562 BT003331|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AGAATGGAATGCCAAATTTGCTGAATATGAGAAGAAGTACCCGGAGGAAGCGGCTGAGTTGAAGTCAATCAT
CACTGGTGAACGACCAGCGGGCTGGGAAGATGCACTTCCGAAATATACACCTGAGAGTCCAGGTGATGCAAC
TAGAAATCTGTCTCAGCAATGTCTTAATGCTCTCGCAAAAGTTCTTCTGGTTTTCTTGGTGGCAGTGCTGACTT
GGCATCATCCAACATGACCCTTCTGAAAATGTATGGCGATTTCCAAAAGAACTCCAGAAGAACGCAATCTT
AGGTTTGGTGTAGGGAACATGGAATGGGTGCCATATGCAATGGGATTGCCCTTCACAGCCCTGGGTTTATCC
CATACTGTGCCACATTCTTTGTTTTACCGACTACATGAGAGCTGCTATGAGGATTTCTGCCTTATCTGAAGCTG
GTGTCATCTACGTCATGACTCACGATTGCGATTGGGCTTGAGAGAAGATGGTCCAACCCATCAGCCAATAGAGCA
TCTGGCAAGCTTTAGGGCAATGCCAACATATTGATGTTTAGGCCTGCTGATGGTAACGAGACTGCTGGTGCT
TACAAAGTTGCAGTTGTAAACAGGAAGAGACCTTCTATTATGGCCCTTTCGCGGCAAAAGTTGACTCATTTACC
TGGAACCTCAATTGAAGGAGTCGAGAAGGGTGGATACATTATTTCCGACAACTCTTCAGGCAACAAGCCAGAT
GTTATCTTGATTGGAAGTGGTTCTGAATTGGAGATTGCTTTCCAAGCAGGAGAGGAACTCAGAAAGGAAGGA
AAAGCTGTTAGAGTTGTTTCCTTTGTCTCTTGGGAGCTTTTTGAAGAACAGTCAGATGCCTACAAGGAAAGTG
TTTTGCCAGAAGCTGTATCAGCTAGAGTCAGCATTGAGGCCGTTCAACATTTGGGTGGGGAAAGATTGTTG
GAAGCAAAGGGAAGGCAATTGGTATTGATCGATTTGGCGCGAGTGCACCAGCAGGAAAAATATACAAGGAG
TTCGGTATCACAGTAGAGGCTGTCGTAGCAGCAGCTCGAGAACTTAGCTAGGATCATTTATATCAGTATCTTCC
ATATATGGAAATCAGCGGCCCATGACATGAATTTCTTTATTGTAATAAACGAATGAAAGCGTGATCCTTCTTGT
TAAAAAAAAAAAAACAAAACAAAAAACGTGAAGCACATTCTCTGTTACTTATGATTCTGTTTACAGTAAATGAGG
TCACAATGAGAAACAGAGAGACGCATTAGTATTTTGTAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_563 XM_002870857|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein phosphatase type 2C,
mRNA

CGGGAGTCACCTACGCTTGCAACCTCCAAATGCTCTCCCTGATGATCAAAATGGTCAAGTGATTGGATAAAAA
TTGGAAAGTATAGGATGTTATTTCAAGGAAATTCACCTGTTTGATAATGGTCACGGCTGTTGTTCCACTACAG

AAACAATCAATAGATGAATCCAAGCTGAGTTCTTGATCAACTTCTTTGAAAGATTCTTCAAGAGCAGCTTCCCA
TTTCGAAACCAACCGGTTTCGTTGTTTTCCACCATTGTTATCTGGTTCAACACAAGCTTCAGAAACCACCCCATT
TTCAGGTTTCATATAGCTGCTTCTTGATAGTTGTGGAGAGCTTCGTGGGTAGAATGTCTCGTGTCATGGCGAGCA
ACCCAATGACCAGATGGGCCATGACCATCAAAAACTCCACAAAACATCAAATCTTCTCCCCTGAGAAATCCTG
TAAGTTTTGATTCAACCTTCTTTGAATACATAGATAGACACAAATCATATCCCCTTAAAAAGATCATATCATAAT
GCATCCTTTTGCAGATCATCATCCATAATAATCAAATTAAGGGAAAACAAACGAAATAGTATAGAGTTTATTCC
TTTGTTTTTACCTCCCAAACTGTCATTGCATCTTGATTGATTCTTTTTCTTCCTCGTTGAGTAAACATCTATGTGA
ACGCAGAGGATCCACGAAACCGAACGGTGGCACCATCTTACCACGTCAAACCTCTTCTCCATCATCACCATTG
GAATCCCTATCATCTTTATCATAGGTCGTGTAGCCTCCATACAGGTTATCTTTTGTACAACAAGCCCCCATTCT
GAGACGACCCTCCAACCTAGGGCAATCTCAAAAAGGAATTTGACCCAACAGAAGAGATGAAATACCAACAAAA
TTTCTGAGAAAGAAAATGCATTAAAGTGAAGATGGATCGAGGATTTCTCTGATTCTGAACCCAAAGGAAGCA
GAAACAGAGAAGAGGAGGAGAGGAGAGATAGTTGAATTATAATTCACAATGGAGAGGGAGATAATGGATT
GAAGGAATGTTGTTTGGATGAGAATGTGGAATTTCAACGAACAAAATTATATTTAGAAAATCAAGGGTGGTG
TCTTACCACCATGGGTCTCTTGTTGACATTTGTGTTAGTGGGTTTGTTCTTATTTCAATTCCTTCAACCTATTACG
TGGTTTATTATTATCATTTTTTTAATTTAATTGTAAATTTAATCAGAAAAAGTTAGAATTTGGACTCTTACTTTA
TAGATTAATAATTGATCGATTCTTATAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_564 AY054632|Arabidopsis thaliana Similar to CGI-126 protein (At1g27530; T17H3.3)
mRNA, complete cds

AATCAATCGACGGCCACATCTCACGAGACATAAACAGGGGGAGTTGGAGGAATCGACGGAGATCGGAATCT
GGTTTAGGGTTTTAGCAAAAGAAGAACAATGGAGGGTTGGGATCCGAATACCAAGTCGACGCTTACCCAAAT
CCCTCTATTAACGACGAAAGCCGGGCCAGAGATGGCGCCGCATGGACGCAGAGGCTGAAGGAGGAGTACA
AGGCATTGATAGCCTACACCCAGATGAACAAATCAAATGACAACGACTGGTTTAGGATCTCAGCTGCAATCC
AGAAGGAACACGATGGATCGGAAAGTGCTGGTACATTACAACCTTCTCAAGTACGAATTCGATCTTCAATTC
GATATCCCCGTCACGTATCCCTCCACAGCGCCGGAGCTTGAGCTGCCGGAGCTCGATGGAAAAACCCAGAAG
ATGTATAGAGGTGGTAAGATCTGCTTAACCATTCAATTCAGCCGTTATGGGCGAAAAATTGCCCTAGGTTTG
GAATTGCTCACGCTCTTTGTCTGGGACTTGCACCATGGCTTGCTGCTGAGGTTCCAATTCCTGTTGATTCTGGT
ATGATCAAGCACAAAGACGACACGACATCAACCAGTGAATCTTAGAAAGTATATGAACTTCTCTGCCATAAAA
CTGAAACTTTTGACCTCGTACATTTCCGGGTAATTGAAAAATAAACTTATCAAGCCCCAAAAGTTGTAATTTA
GAGGTTCTTCTCGACCCCCGACCCATAATTTAACTGTTGAGGTTACAACCCTTCAGTTACTTATATACATAGTT
ATATATTTACTGGGATTCAATCATATATGTTGATACATCAGCTAATCACCTTTTGTGTTACCATTATTCTCAATTGG
ATTGTCTCTGATGAAAATGTGGAGTGCAGATTGTTCTTGGAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGG
CCCCCCCCCCCCCAAAATTTTACAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCCCGGGCCCAATCCCCCAAAA
GGGGGCCAAATACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAAACCCCCGGGAGGGGAAAACCCGGGGGTTCCCCA
ATTTAAACCCCTTGAACAAATCCCCCTTTTCCCCGGTGGGGAAAAACAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTT
CCCAAAATTTCCCAACCCAAAAGGGAAAAGGGACCCCCCTTGAACGCCCAATAAACCGGGGGGGGGGGGG
GG

>trans_s_565 NM_129607|Arabidopsis thaliana proton-dependent oligopeptide transport (POT)
family protein (AT2G40460) mRNA, complete cds

AAGAAAATCTCGGATGGGGCCTTGGCTACGGGATTCCGACTGTTGGCCTTCTGTTTTCCCTCTTCATCTTCTATT
TGGGAACTCCTATTTATAGGCATAAGGTTAGAAAATCTCGGAGTCCGGCTAGGGACTTGATTGGGTGCCGGT
CACTGCGTTTCGTAACCGGAAGCTTGAGCTTCCGGCCAGCCGAGTGAGCTTTATGAGGTGGAATTGCAGAGT

TACTCCGGTTACGGTGCCGGCGCCGGTAAAAGGCATGTCCGGCACACTCCTATTTTCAGGTTCTTGGACAAAG
CTGCAATAAAAGATGGCACAATTCGTGAGGCCTTCATGCACAGTGAAGTGAAGGAACCAAGCTTG
TTTAGGTATGATCATAATATGGCTAGCCACCCTTGTTCCAAGCACCATTGGGCCCAAATCAACACACTCTTTG
TCAAACAAGGCACCACTCTAAACCGAACCTTTCCCATGGCTTCCAAATCCCAGCAGCCTCCCTCGGGAGCTTT
GTGACGCTCTCCATGCTCATCTCTGTCCAATGTACGACCGCTACTTTGTCCCTTCATGCGTCAAAAAAAGTGG
AAACCCTAGAGGAATCACTCTGCTCCAGAGATTAGGCGTCGGTTTCGTCATCCAAATCATAGCCATTGCCATTG
CGTATGCTGTGCGAAGTTCGAAGGATGCACGTAATCCGAACAAACCACATTGTGCAGCCAAAAGAAGTAGTCC
CTATGAGCATTCTTTGGTTGTTACCACAATACATACTTCTCGGCATTGCTGACGTTTTCAACGCAATTGGGTGGC
TCGAGTTCTTCTATGACCAGTCCCCCGAACATATGCAAAGCCTTGGAACTACATTCTTACCAGCGGGATTGGT
GTTGGAAACTTTTTAAATAGCTTTCTCGTCACAGTGGTCGATAAAGTCACAGGCGAAAACAGCGGGAAGAGTT
GGATTGGTAACAACCTGAATGACTCTCATTGGATTACTACTACGGGTTTCTTTGGTCATATCAACACTCAATT
TGGGTGTGTTCTTTGGGTGTCAAGTATGTATTTACAAGAAAGAAGCCGTTGATGAAGTTAAAGATGGCAT
GGAAACCAAAGGGTTGGATACTTCTCCTCTTGGGCTACAAGTTTAATGGGAATTAATTAATATTCCTATTTATT
AATATTACAAGAGGTATAAGCTTCAGCTATAAATCTAAGAAATGTAGTTGAAAGCTTTGTGCAACATTCTATT
ATCTAGCCTTGATCCCAAGGCAGCAGTGATGTATATTGGAATTGCTTCTCATAATAA

>trans_s_566 BT014790|Arabidopsis thaliana At5g24600 gene, complete cds

ATACTTGTGTCCAAATATGAAATACCTCCACTACTTGTAGTGGATAGCTTTATAGAACAGGATCGATTTTCATCA
TCACTATTTTAAACTAAAATCGTTTTGTACGTTTTCTTTCCAAATTTAAATATAGGCGATTCTTGTTTCGAGCT
TGCTGGATCTGATTCCGTTGTCTGTGAATTGAGACCTCTTGATAGGAAGTATTCGAGTTCCTTTTTCTGCAAGG
CTCTGCTTTGTCTTTCTTTGTCTTTCTTTGCTTCAATCTCAGTCTATTCTATTGGCGTCCTTTAGGTTCCATCG
GGTATTAGAAGCGAGAAGAGAAAAGCTGAGTGTTGAGCTTCAATGGAGGAGGCTGCTATTGACTTTCTTCTGG
TTCCTTTAGGTCTCTGTTTGTGGTGGTCTATCATTATGGTTGGTTCTTACCATTATCGGAATCCCAGACGGA
CGGTCATTGGTCTCAACGCCGAGTCTCGCCGCCAATGGGTGTTTTGCGTGATGACTGATCCATTGAAGAATGG
TGTTTTAGCTGCTCAGACAATACGAAACAAAATAATGGCATCTACGTTTTAGCAACAACAGCAATAACTCTCA
GTTTCGTTAATTGGTGTGTTTTGTGAGCAGCTCATCTGACATGAGTAATGCAAAATTGCATCTAATTTATGGCAAC
AAGTCTGCCCTTTGTACTTCAATCAAGTACTTCCAATCTTGTTGTGCTTCCTTGTTGCTTTTCTATGCAATGTGC
AGTCAATAAGATACTATGCTCATATAAGTTTCTTGGCCACTGTTCTACGTGGAGAGATCAGAAAGAGTCTATT
CAGTATGTTGCCAGAACTTGAATCGAGGCAGCCACTTCTGGTCCGTTGGATTGCGAGCATTTTACTTCTCATT
CCCTCTCTTTCTGTGGATTTTGGGCCAATTCCTATGTTTGCTTGTTGCTGTATAATGTTATGTATTCTTTATTCT
TGGACACAACGACTAGTTTTACACGGCAACTTCACAGCCGATCACTGAAGGAGGACCAGGAAGTCGATCTGG
AATCACCTCGTCAGGTGTTGTAAGTACTGTTGAGTCTCGTAATACCCTTGATCTAGGCAGTTCTATGAATATA
TATCTTTCAATGTTCCAAACCTATATCCAACATAGTCTAATATATAGTCATTAAATATGCTTGCTTCAGCTGAATT
CCTGATTGCTGAAGACTATAGATTAACCTTGCTATATAATGACAACCTTTGACGAAGTGCCAATAAATGAAGG
GCTGGTTTTATTCTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_567 NM_106628|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT1G79790) mRNA, complete cds

TCAGATTTGACTTGCAAGCGAAGGGGCCATGGTCTTGGAGCTGTTGTGCTTCTGCCATTGAACTAACTTTAAT
GGCTTCTCTCTTTAACCCAAACCCACCTCTTGTTTCCTTCTCCTCAATCAGACCCTCCTCTTCAATCCATCAAAA
ATGGTGTCCAATTTCAACCAACAAGCATTATACCAACAATACTGACGTTATTGCCCATACCAAACTCTTCTCG
TCTTCTCTTCAATGGCTACTGGTTGTAGCTCCGCTGGTGGTGATAACACCTCTAGGAAGCTTCTGTTCTGCTC
TTTGACATCATGGATACTCTCGTTCGTGATCCTTTCTATGATGACGTTCCCGCTTTTTTTCAGAATGCCCATGGAG
GAACTTCTGAACTCAAAGATCCAACCTGTATGGATAGAATTTGAGAAGGGTTTGATTGATGAGGCAGAACTG

GAAAAGAGATTCTTTAAAGATGAACGACCGATAGATTTTGAAGGCCTCAAAGCTGTATGATAAGCGGTTACT
CTTTCCTAGAAGGCATTGAAGAATAGCTAATTGCTCTTAAAGAGAAAACTATGAAATGCATGCCTTCACAAA
CTACCCTGTTTGGTACGAAATGATTGAGGAGAAGTTGAAGATCTCGAAATATCTATCATGGACATTCTGCTCTT
GTAAAAACGGAAAGAGGAAGCCGGATCCTGAGTTCTACTTGGAAGCCTTGAGACATCTCAAAGTTGAAACAG
CTAACTGTATTTTCGTTGATGACAGAAAGAAGAATGTAGAAGCTGCAAAGAAGTTGGCATCAATGGCCTCCA
TTTCAAAGTGCAGATTTACTATCAAAGGATCTCTGTCTTCTAGGACTTGATATTTACCTGATACAAGCTCGCC
TTAAATCAACATCTATATATATCTGCAGAACATGTTGCGCAAGGTTTCATTTCTTTTTTCCATTTTTTAAATGAAAA
ATAAACTCATATTTCTTTAATTCCATTGATCTTCGTGTTAAGTTGGAATGCTGTTCTTAATATTGTTCCAGCTGG
GGATTCTTTTTACTGTGCAAGACCAAGAAATAAAAAATAGCAAATAAAACATTAACTGTAATCTATTTAAATC
ATGGGCAGACTTAGCAGGGACTATACCAATTAGGTTTTTCTTCATTGGGATCTTTGGAAGATAGGACATAATT
CATGTGGAAGCAATGTCAACATTGTCTTTTCAGAATGTTACATACTCTTTTGACGATTTTTATAGTTACACTTGC
TGAAAACATTGCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_568 AF443118|Gossypium hirsutum polyphosphoinositide binding protein (Ssh2) mRNA,
complete cds

TCGTCTTCTTCTTCTTCAACTCTGTAAAAATGGAGACGATCTAGTACTATTACAACCTCCTCTCTCTCTCT
CTCTCTGTCTCAAATCACACTCTCTTTCATATTCATGGCGACTCACCATTGACTCCTCTAGAGCTTAACGGAAA
GTCAATGGAAAACCTCAGAGTGGACGGAGGAGGAGGAGGAAGACGAAGATGTAGAAGATGACTTCAAGGAG
TGTGTTGAAGAATCGAATGGTTCTTTAACGCCTGTGATCAATGATAACTTGATTGGAATGAGGTTGAGAAAC
AGAAGGTTGCGATCATGAGAGCTTTTGTGAAAAGGAAGACTCCTCTGCTAAGGATGTAGATGATTTTCATGAT
CCAAAGGTTTTTACGAGCTCGTGATTTAGATATAGAGAAGGCTTCTGCCATGTTTCTAAAGTATTTGAGCTGGA
GAAGATCTGCTATTCCTAACGGATTTATATCACCGTCTGAGATATCAACCAATCTTCTCACAACAAGTTGTTTA
TGCAAGGTGTTGATAAGAAGGGACGTCCAATTGTAGTTGGCTATGGTAACAGGCATAAACAGGGGAAATCTAG
ACGAGTTTATTCGTTATGTAATCTTTATTCTAGAGAAAATAAGTTCCAGGATGCCAAGTGGGCAGGAAAAGTT
TGTGTGTATTGGTGACCTTCAAGGATGGGGATACTCTAACAGTGATATTCGTGGATATCGAGCATCTCTACAA
ATCTTGCAAGATTGCTACCCTGAGAGGCTGGGCAAGTTGTATATTGTACATGTTCCCTTACATATTCATGACAGC
ATGGAAGATGGTTTACCCATTTATTGACAAGAAAACCAAGAAGAAGATATGCTTTGTGGAGGACAAAAAGCT
GAGATCCACACTACTTAATGACATCGATGAGAGCCAACTCCCTGATGCATATGGAGGCAAACTTTCACTAGTT
CCAATCCAAGACTGCTAAATAAATGACCATCAAACAAATACAGTTGCAACGTAAGTATGCAATCCAATCTCTC
TCTATCAAAAATCTTTAAGGTCAATACTCATTACCCTTCTCTTTTTCTCTCTCTACCTTTCTTTTACTTGTTTTCTA
GTTATGCTTCTAAGGTTTAATTAATAAGTATGTATAAGCTTTGAAATAACTCTACTACAGAAGTTCTATTGTAG
AAATCATACTCCTATCTATGTTACTACTGAAGTCAAGATGAGTTATTCTTATTATTCCCAATTTTATGAATAATG
GTCATACTATAGTTTGGTTCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_569 NM_106723|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7A) (AT1G80750)
mRNA, complete cds

AGGGTTTTCTTCTCTCTTTCACTTTCACTTTCCCTTGCCGGCCGTTCTTTCCCGCTCCACGCCGCCGAGTTAT
CTACCCTCCTTATTATTTGTTTGGTTTAAATCACCTTGTCTTCTCATTCTCTCATTCCCCCCCCCGCTCGC
TTGTTGGCCGCCCCACCACTCGCATCTCTGCCCCACCTCTCGTTACGGCTTCGATCTCTCGTCCATCAACGAT
ACGCTTCGTCCCTCTTCTCATTCTTTGGCTTCGATTTCACTTTAACTGCTAACAGGTGAATTACTATGGCTAT
GGCAGAGGAGGATCCTAAGCCACTTGCATATATACGGGAGATTATACTGAAGAAAAGAAAGGTAAATGAAGC
AGCGGCATTGAGAAGAAAGGAACAGTTGGAGTTAAGGAAGCTTAGTTGGAAGAAAAACAAAGATGGTTTTAT
TAACTACCTGAGGAATTTGTGAGAGAATATCGTGCTAAGGAAGTGGACCTTGTCAAAATGAAGCACAGGAC
AAAGAGAAAAAGATCTGCTATTGTGCCCTCAAATCACAATTGATTTTTATAATTCGGATACAGGGCAAGAAC

GACATGCATCCAAAGACAAGGAAGATCTTATATAATCTTGGATTAAGTAGAATTTTCAGCGCAGTTTTTGCCAA
GGCTAATGAGAGTGTTCTAGGGAAGCTACAGAGGGTGGAGCCATATGTGACATATGGATACCTAATCTTAA
AAATGTGAGGGAGCTCGTATATAAGAAGGGATTGCGAAAGATAGACAAACAAAGAGTTCTCTGACTGATAA
CAACATTATCGAACAGGCATTGGGCAAGCATGGCATCGTGTGCGTGGAGGATATGGTGTATGAAATCGCTAA
TGTTGGCCCTCATTTTAAGGAGGTAATTCCTTTTTATGGCCCTTTGAACTTGAAAAGCCAGGAGGAGGGGGC
TGCCTTCAAGGGAAAAAGTCATCGTACAAGGATGGTGGAGATGCTGGGAATAGAGAAGATGACATCAACGA
TCTGATTAATGAGATGAATTAGGCTGGAAAAATTTGCTTTGAAAAGCCTGAAGGGGGGAGATCCAGTAGTTT
CTGTAATGCAATTTTGTAGGTTATAATGAGTTTGTATCTTGTTCAACTCATTTGCTTCATATGTTTTTGGGTTTT
TACGTTATTTCTTATGTCCTAGAGAAAAAAGAACAACCTGGATTTGTTATATATTTAACACATAATATTATCC
ACATTATGAGAGACAAAGCCTCCCTCTTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_570 XM_002329565|Populus trichocarpa light harvesting-like protein 3 (Lil3_2), mRNA

AATTACAAGGCTGAGGATAGAGCTTTAGAGCAGAAGCTCTCTCCCTCCCTTCTCCATAACAACAATGTCCTCCA
TGGCTTTGTTTTCTCTTCATCCCATCTTTCTACTCTCTCCTCCTTCACACCACACAACCCATTTCTCCTTCAGA
CCCTTTTCTTCTCTCAGAACCCAGAAACCCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCCTCTCTTCACTATCAGGGCCACAGC
TGACAATGGTGCCGGAATCTCAGGTGGTTCAGTACTGTTGCTGTAGAAACCCCGTCGAGCAGAAGGATCC
GGAGCCGCGCAGGAGAGCCTCGCCGGAACCAATGGGTGCGTGGCGGCTGCTGAAGAAGTTGTCGAGGTG
GTTAGCAAATTTGAAGACCCTAAATGGGTAAATGGGACTTGGGATTTGAATCAGTTCAGAAAAATGGAAGT
ACTGATTGGGATGCTGTTATTGATGCTGAGGCTAGGAGGAGGAAGTGGTTGGAAAACAATCCAGAATCATCA
AGTAATGAGGACCCTGTGGTGTGTTGACACATCCATAGTTCCTTGGTGGGCTTGGATTAAGCGCTACCATCTGC
CAGAGGCTGAGCTACTCAATGGGCGTGCAGCCATGGTGGGGTTCTTCATGGCTTACTTCGTTGATAGCTTGAC
AGGGGTAGGACTAGTAGGTCAAATGGGCAACTTCTTCTGCAAAACATTGCTATTTGTTGCTGTGGTTGGAGTT
CTTTTGATAAGAAAGAATGAAGATATAGAGACTCTAAAGAAGTTGATTGATGAAACAACATTTTATGACAAGC
AATGGCAAGCAACTTGGCAGGATGAAACATCCTCAGGCTCAGGCAAAATGTAATACGGGAAAAGTTGCTGT
TTCTTGTTTTGTATGGATTATGTTTGTATCTCTAAAGATTTGGGCTAAGTAGAGAAAAGATAATGTGAGCTCTG
AAAGATACTAAATCTTTAGGTCTCAGTTAAATGCTTCTTGAAGTTGAGGCTTCTCGAGTTTCAATGAAAATCTC
TCCAAAAGAGCCTTGCTTATCTGGAAATATGGGTATGAGGGTTCAGCTATTTTGATGGATTTATTATCAGATT
TAGCTCAATCAGTTTCCCAAATTCATTTTTGTTGTGCAAGAAGGCATGTGGGGAAATTTGGTTTGGTTTAA
AGGGCCCTTTATTAACAGATGCATTTAGTACATATGCCTAAGGAGTCTTGAAGAAGAGTCATCCACCCAAGAT
TTGAGCATTTATTGAACTTAAAGGGGGAGTGATATACTAACAATTTTTTTTTTTTGAGAAAAA

>trans_s_571 AJ003197|Lupinus albus mRNA for adenine nucleotide translocator

AACTGACCTTTCTACTGTTGCCACAACCTGCTTCCCCATTTTTGTTGCTGCCCTGCTGAGAAAGGAACTTTAT
GATTGACTTTCTTATGGGCGGTGTGTCTGCTGCTGTGTCCAAGACAGCCGCTGCCCAATTGAGCGTGTCAAA
CTCTTGATTCAAAATCAGGATGAGATGATTAAATCCGGACGTTTGTCTGAGCCATACAAGGGTATTGGTGATT
GTTTTAAGCGCACAAATCAAAGAGGAGGGTTTCGGTTCATTGTGGAGAGGAAACACTGCCAATGTCATCCGTTA
TTTCCCCACTCAAGCATTGAACTTTGCTTTAAGGATTACTTCAAGAGACTTTTCAACTTCAAGAAAGACAGGG
ATGGTTACTGGAAATGGTTTGCTGGTAACCTGGCATCCGGTGGTGCAGCTGGTGCTTCATCTCTCTTTTTGTT
TACTCTCTTGACTATGCTCGTACCCGATTGGCAAATGACGCCAAAGCTGCCAAGAAGGGTGGAGAAAGGCAA
TTCAATGGACTGGTTGATGTCTACAGGAAGACGTTGCAGTCTGATGGTATTGCTGGTCTATATCGTGGGTTTA
ACATTTCTTGC GTTGGTATCATTGTCTACCGTGGTTTATACTTTGGAATGTACGATTCTCTGAAGCCTGTTTTGT
TGACCGGGAAGATGCAGGATAGTTTCTTCGCTAGCTTTGCCCTTGGTTGGCTCATCACC AATGGTGCTGGTCTC
GCATCCTACCCAATTGACACTGTTCTGTAAGAATGATGATGACATCTGGTGAAGCAGTGAAGTACAAGAGCT
CATTGGATGCCTTCTCTCAGATCTTGAAGAACGAAGGTGCCAAGTCTCTCTTCAAGGGTGCTGGTGCTAACATT

CTCCGTGCCGTTGCTGGTGCTGGTGCTTGCCGTTACGATAAGTTGCAGGTGATCGTCTTCGGGAAGAAAT
ACGGATCTGGTGGCGCTTAAGCTGAGGTAGTTAACCTCACCTCGAAGGTTAATTCATTTTTTCAGATGTTGATG
AAAATGTCTCCAGAGTTTTAGACTTGGTTCTGGTGATTTTTTCTTCAATAATTTAGTTTTGAAGGGAGTAATT
CCCGAACATTAATTATCATTTAAAAGATACAATTTAGTTTTGGACTGAGATGCAGAGTTTTTAGATATGTGTTTC
ACATTGGGGTTACCTTTAGAATCTCAAATAAATTCTCGGATAATTTTATTGAATTGTATTATGTTTATTTACG
CAACTTAACTTTCAATTACTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_572 NM_179249|Arabidopsis thaliana TPK1 (THIAMIN PYROPHOSPHOKINASE1); thiamin
diphosphokinase (TPK1) mRNA, complete cds

ACTGTTCTTCGCTTAAGCTTAATTTGCTTTCATTTTGAATATATTCAATCAGTTTCTGGAAGTTCTTCAGCTTTG
ACTACCTAAAACATCAACCAATTGCTTCTCAAATCCGTCTTTCCTTCACAAAATCTCTCCAATCTCTTGCAATTTCC
GTCATGGAAGTCCTGTTCCACTCTTCAGATTTCTTCTCCCTTCTCCTTCTTTCACCGCCCAACCAACCGCCGTT
CTTCAACCTACGCCCTTGTCTGCTCAATCAACGCCTCCCCAATTACCCCCCTGCTCTGGAAGCACGCACAAC
TTCGTCTGTGTGCCGACGGAGGCGCCAATCGTGATTTGATGATTTGCCTTTGATGTTTCTCATCTAGATGCTT
TGGATGTTGTAATAGCTACAAGCCAGATGTTATTAGAGGAGACATGGATTCAATTCGGACAGAAGTACTAG
AATTTTATGCTAAGCAAGGAACCAAGATATTTGATGAATCTGAAGATCAGGATACCACAGATCTTCATAAATG
TGTTGCATATATTCTTCAATCTATTCCAAATCAGGAGTCTAATCTGTGTATACTTGTGCTGGAGCTCTGGGTG
GACGGTTTGATCATGAGATAGGAAACATTAATGTTCTATGCCGTTTCTCAACCACTCGCATAATACTTCTGTCT
GATGATTGTCTTATTCATCTTCTGCCAAGGACTCATCACCATGAAATCCTTATTCATTCATCTGTAGAGGGGCCA
CATTGCGGTCTCATTCCAATTGGAATGCCTTCTGGAAGCACGACAACCACTGGTCTTCAATGGGATTTGAGTG
ACACGGAGATGAAGTTTGGGGGTCTAATTAGCACATCAAATATAGGTAAAGAAGAGAAGGTAACAGTGCA
ATCTGACTCCGATCTTCTCTGGACGATCCCATTAAGGCAAAATAGCAAAAGCTTCAATTAATTTTCAGCA
TTAGGTAATGGAATCTTCTTCTCCATTTGAAATAAGAATAATTTTGAAGATTTACCCCCCTTCACATCTCTAGT
AGATTTTATAGTATTTGAGTTTCAATTAGATTCATTTGGCATGTACTTAAATTTCAATTTTATTTGAGTAGGAAG
CGTGTTTGCAATGGGTAAAGTTTCTTTTCTTTTACTTGTGATTTTGGAGGTCAGTGCCACTATATATGTCAA
TTGTATTTTGTAACACCAATAATACTCTCTTATTTGTTGAGAGCTAAAGTATACTTTATCAGCAATGACATTT
GATTTGTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_573 FJ906848|Jatropha curcas vacuolar protein sorting-associated protein VPS28 mRNA,
complete cds

TCTCTCACCATTACAAATCGTCTCTCTTCTCTCATCAGGTGAAGAAGGTCTTCTCTTTCGCGGTGTCCCGTTC
TCTTCTCCAATCTCCACAGAACATAAAACCCCAATTTCTCTTCACCATTTCGCACCCCGAAGATTGATTCAATG
GAGGTCAAGCTTTGGAACGACAAGCGCGAAAGAGAAATGTACGACAATTTTGCAGAGCTCTACGCCATTATC
AAGGCTACCGAAAAGCTCGAAAAGGCTTACATCCGTGACATTATTTCTCCTCCGATTACGAGACCGAATGCTT
CAAATCATTGCACATTTCAAGACCCTCGCCTCGACGCTCAAGGACACAGTCCCGAGTATTGAACGATTTGCTG
ATACTTACAAAATGGACTGTCCGGCGGCGATCAACCGTCTCGTGATAACTGGGGTGCCTGCCACGGTGGAGC
ACAGGGCGACCGCGCTGCCTCCGCCACCACTCCGCTGCTATTGTGGCGGAGTGTGTGCAGAACTTCATTAC
GACTATGGATTCATTGAAATTGAACATGGTAGCGGTTGATCAGGTGCACCCCTTGCTCTCGGATCTTGCTGCCT
CATTGAACAAATTGACCATTCTGCCCCGGATTTTGAAGGGAAAACGAAGATGAAAGAGTGGCTTGGACGAC
TTTCGAAAATGGGTGCCGCGGATGAGTTAACAGAGCAGCAGGCTCGGCAGCTTCACTTCGATCTTGAATCTTC
TTATAATTCATTCATGGCGGCTTTGCCTACTGCTGATGCTGCTATGTGCCAAGAGCTATATCCACATCTGATCA
ACAAATCCTTTTTTAGATACTTTTGGGGTTATGTGGGGTTGGATTTTGTGACTTTTGTGCTTTCAGTTCCAGAAC
TCATGGGTTACATTGTTACAGTTCTTTATCAGAAACCTGCCTCGTTTCTCATAACTTTTTAAAGTCTCTGCTCAT
ATTATATTGCTCTCCATACTGAATTTTCTTATAATAAAGCATGTCAATCTAAGTCATGGCAAGTATCTAGTGAC

AATCTTTGCCTTGGAGACTACTTTTATTCCTGAAGGCGGAATCCATGACCTTCAAGTAGGAGTTCAAGGAAGT
TGACTGATGACTAGTTCATTGGCAAGGCTCCCAAATTCTTAGCTACACCCACTTATCTTTGGGATTATGGTT
AGGCAATCTCTTGATGATGATTGAGATGTTGAAGTTGTATTTATATTGTAACAGAATTAATTATAGTTTGAAGA
TATCATTTGAACTCTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_574 XM_002867351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thioredoxin family protein, mRNA

GCCATCTCGAATCCTGTAAATCGTAAAAATCCTCTCTTTCTTCACGCGCACACTCTCCGGAGGTACTAGAAATTC
TGATTTTTTTTTTTTTTTTACTCTTTCAAGCTGCAGAAGAAAACATAGCCACAATTACAAACAACCCTTCTTCTTC
TTCTTCTTCTTCTTCTTCAACCTCTTCCCGTTTTCTCTCTCGACTTCCCTTTACCCCATGCTGTTTAGCTAGTT
CCTCGTCTATTGGGATTTTGGGGGGAGAAGTTTGTCTTTCAACTGAATTTGCCGCTTTGTCTCTAAATG
GCCGATGTTTTTAGGTTCTCGTCTCATTCTTTCTATTCTCCTCCACTTCTTGCCACCCTCCTTCGCCTCGTCCTA
CAGTTCCCTTCACCCATCTCTCCATCCATTCAAACCCAGAAAAGAGGTCGAGTCCTATGCCATGTTATCCAC
TAGCTATGCAATGCCTCTTTCTTTCAGACCCAGAAAGAGGTTGGTATCTTTCAAGGTACAGGCTGCTGTGGCTG
AAAAAGACCAGCCAAAATGGTGGGAAAAGAATGCACCAACATGATTGATATACATTCAACACAGGAATTTT
GACTGCATTAAGTGAAGCTGGTGATAGATTAGTTATTGTAGAATTTTACGGAACCTGGTGTGCTTCTTGCAGG
GCATTATTTCCCGGCTCTGCAGAACAGCTGATGAACACCCTGAGATTTTATTCCTAAAGGTCAATTTTGACGA
AAATAAGCCAATGTGCAAAAGCTTGAATGTCAAGGTCCTTCCTATTTCCACTTTTATCGTGGAGCTGACGGCC
AGTTGGAGTCCTTCTCATGCTCACTCGCAAAGTTTCAGAAAATTAAAGATGCAATTGAGATGCACAACACAGC
TCGTTGCAGCATTGGGCCGCCAAAGGGAGTAGGCGATCTTATACTGGAGCCTTCCTTGGCTCCTAAAGACAAA
CAATAAACAGAAGCTTCATCATAGACTTGCCCAAAGCCGCATCGGTATCATTGTGCATTCCTCTGATATTAGTA
TAACCTTCTGTTTTTATTTTTTAAAAAAGATTCTGCAGTCAGCTATCCAATCTGTAAATTGTCATTCTTGTCT
GTAAAGAATTGAGAAGTTGAGAATACCAATCATAAAATATTTTGCTAATTTTATCTGCTTCTTGTGCTAGCTT
TGACTTTTGTACTTTGAAACAAGTTACATTGGATCAAGTTCTAAATACATGCCAGTGATTCAATTGGTTTCATT
GTCTAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_575 AB195174|Nicotiana tabacum NtPITSLRE alpha mRNA for homolog of mammalian
PITSLRE alpha protein kinase, partial cds

CAGTACAACCTATTGCGTAAGAAATCCCGGCGACATCATTTACCGGTTGCCAGTCTTTCTGATTCAGGATT
TGATTTGTTGAACAAACTTCTAACTTACGATCCTGAGAAGAGAATTACAGCTGAGGCCGCTCTTAATCATGAAT
GGTCTCAGAAGTCTCTTCCAAAGTCAAAGAATTCATGCCTACTTTCTGCTCAGCATGCTCAGGACAGG
CGTTTACGGAGAGTAATGAAGAGTCCAGACCCCTTAGAGGAGCAACGTAGAAAGGAGTTGCAGCAAGGGGA
ATTGGGAACATCTGGCTTGTGGCTAAGAGAACGGATCTGGTAATTTGGCCAAGGCTGCCTGAAGTTATTT
TTCTAATAACTCTGACTATTGGACCTGATTGAGGTGAGGGAAGAAGGCTGTGAATCTTGTGTTTGACAGATGAT
TGCTAGTGCTATTTAGCGGGCATTACCGGTTATCTGGTTCAAGATATGTATTTTTTTTTTTGATTCTGTCAAG
AAGTCTATTGCAGCTTGACGTCAATTCTTCTCCTCTGGTCATCATATAGAAAATGCTTCACTGACACGGCTTGCA
TGGCAAGGTGCGGAACATTGTTGTTTTCTGCAAAAAGATCAGATTGAGCAGAACTAATTGTGTAACATAT
TCCTATTGATAATTAGGCTGTTGGCCATAAATTTTATTCATAATATTAGATTACCATGGATTTACTGCCTACATA
GTTCCAATATATCTCTTTTATTTGAATTGTGTTTGAAGAGATGGTTGGTGGGAAGGGAAGGGCGGTCTTTG
CTTCTCGTTGGTGAAGATTTGACAGTTACGTTAGTTTTTCAAAGTATCAAACTAGCAGGTTGAGGAGCTTAC
CTGCATTGCTCTGGAAGGTATTAAGTTAGTTCTTGAATCGCACACTTGAGAAAAATATGGTTAACCAGACTTTA
AGCTGACTGTTATAAGTGTGCTATCAAGCGTGGCGGAGATCGATCCAACATGAAGGCGGCGTTTGGTCTTGG
TCTTGGTGAATAATCCGTAGAACCAATCTCAAACCATTTGTCCGGCTTAAAAATGCACTCATTACAATGGA
GGAGGTTTTCTGAACGCTGGTTTTTATGGTATCTTATATGGTTCTCATTACAATACATCCAAATTAGATCAGTAT

ATTTGATGTACTTAATAAGTTCCTGAGTAACACTAATTTGGTAATGCAAATGCTATTGTTCTTTAGGAAGTTCT
TAATAAGTTCCAATTGTTTGAGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_576 XM_002890057|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartate-glutamate racemase
family, mRNA

AAATAAAAAATGGAATCTTTTGTTCGAAACTTCTTCCTTGAAGTCGCTCACCAAATCCTGATCCACGTTTGTTT
TATCATCTCTTTTCCGGTGGGAAAAAGAAAAATGGACGATCTACATTCTACGGGGATCTTCACCATAATTCGGA
TAAATGCTGTCTGGAACCACGACACTCTGTCTGAAGTGGACAAGTTACTAAATTTATGTGAGAATGGTTGCTGT
TGTTCTAACAACAAAGATTCTCCCACTTCCACTTGCTTCAGCTCCTACTTCCCCATCCATTTCTGAATGATTCT
TTTCCCAAGACCCTCAAATACAAGAGATTGTTTGTATTTCCTCTTCTTCTGCCATTATTGATCTTTCTTCTTTTA
TCTCTTGGTCTTTTTTGTCTTGATCTTGAGAGGAAGATAATTGGGTTTTGTTTAGGGATTGATATTCAGTTTTT
CCTCCATTTTGAGTGCCAGAGAGGGGGTTTCTCCTGTTTTGTTGCTGATATTGCAGGTAATTCATTATTCAA
TTGACCCAATAATGAGTTTGTTGTTCTTGTGATGGGAAATTGTTGACTGGGTTTCTTATTGTTGAAACCCAGAT
GTTTTTGAGGATTGACAATGACTTTCAGCTTTTAAGTAGTCAATCTTGTATATCTGCTTATGTAAATACTCGTA
GAATTCAGCTACAATGGAGGTTGAATCCTGTTTCAAGCTTTACCACCATCAACTCTATTGCACACTGATGAAAGC
GAACATTTTCCAGAATCTAAAAAGACTTCTGGGTTCAGCTCAGTATTGAAAACGAATAAAGATTCAACTGGTA
TTTTGCTAAGTCAATCAAATACAGTGGGTATATTAGGAGGATCTTCTGTGAATTCTACTGTAAACTTCTTGGGA
AAATTAGTTAAATAGAGTACCAAAGATGGAGAATCTCAATCTGGTCTCCCTTTTGTTCTTGTCTGACCCAAT
CTTAGTAACGAGCTCCAAGTGTTTGATAAAAGTTCTCATCCAGTTCTCAACTACAAGAGTGAGGATTAGGATT
GGACTCTGAGTTAGTAGTGGAGAGTCTGAAGAGAAAGAGAACTTTTCTCGAGAATTCAGGTGCTCGTTGCATT
GTTATGCCTTGTACATCTCTCATTTATGGTATGAAGATGTTTCAAAGGGTGTCTGTTACCTTCCTTCACATG
GCTGATTGTGTTGCTAGAGAGCTCAAGGAAGCGAAGTTGAAGCCACTCGAAGCTGGGAGTCCCTTAAGGATC
GGAGTTCTTGNCACGAATGCAATTTAAGTGCAAGGTATTATC

>trans_s_577 D31727|Cucumis melo mRNA for 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase,
complete cds

CAAAAAACAAACCTTGATACCAAAGAGTCTTTTTTCTTTATTTGCACAAACCAAATCTTGATCTACAAAAAGA
AATGGCTGTCTTTCCTATCATCAACTTGAAAAACATCAATGATGATGGTAGAGCTAAGATATTGGAGCAAATT
GAAGATGCCTGCCAAATTTGGGGTTTCTTTGAGTTGGTGAACCATGGGATCCCATGAGTTTTTAGACATGG
TGGAGAAGATGACAAGAGATCATTACAAGAAATGTATGGAAGAGAGGTTTAAGGAGACTGTGCTTAGCAAA
GGCTTAGAGGCTGCACAAGCTGAAGTTAATGATATGGATTGGGAAAGCACCTTTTTCTTACGCCATCTTCCTG
AATCAAACATCTCCAGATGTCTGATCTCGACGAGGAGTATAAGAAAATTATGAAGGAATTTGCGAAGAAATT
GGAGAATCTTGCTGAGGAGTTGTTGGACCTGCTATGTGAGAATCTTGGGTTGGAGAAGGGTTATCTCAAAAA
GGCTTTCTATGGTTCAAAAGGTCTACATTTGGAACAAAGGTGAGCAATTATCCGCCGTGTCCCAAGCCGGAC
CTCATCAAGGGTCTTCGAGCCCACACCGACGCCGGTGGCATCATCCTCCTCTTCCAAGATGACAAGGTAAGTG
GCCTGCAACTCCTGAAAGATGGCAACTGGATCGACGTGCCCCAATGCGCCACGCCATTGTCGTCAACCTCGG
GGACCAACTTGAGGTGATCACAATGGAAGATACAAAGTGTGATGCATAGAGTGTTAACTCAAACGAGTGG
AACTGGGCGAATGTCGATAGCTTCATTCTACAATCCGGGGAGCGACGCGGTGATCTACCCGCGCCGGCGCT
AGTGGAGAAAGATCAGGATGAGGAGAAGAAGGAAGTGTACCCCAAGTTTGTGTTTGAAGATTACATGAAGC
TGTATCTAGGAGTAAAGTTTCAGGCGAAGGAGCCAATATTTGAAGCCATGAAAGCCAATGCTAATTTGGGTCC
AATGGCAACAGCATAATTAACACCCACTTTTTTCTTAATAGTAATAAGGAATATTAGAGGGCTTGTCTTTGT
GTTTGCCCTTTTTAAGTGGGTCACTATTATTGTTATTAATTTAGTTGAAAAGTCAAAACCAAATATATAAATAT
ACATATATATATATATGTTTGGTAATTGTAGCAACTTAATAGGCTAAAAGCTAGTATAAGGATTAAGGAGTCTT
GTTCTCAATTTTCTTTATAATTTAAATTCATTTTCAGCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_578 XM_002300175|Populus trichocarpa cinnamyl alcohol dehydrogenase-like protein (CADL10), mRNA

AAGCTTAATTCCGAGAGAAAAATGGCAAAATCACCAGAAAACGAACATCCAATCAAGACTCTGGGATGGGGT
GCTCGAGATTCATCTGGGTTAATCTCTCCTTTCCCTTTATCTCGAAGGGAAAATGGTGATGAAGATGTCAGTAT
CAAAATCCTTTACTGTGGTGTTTGCCATTCTGATCTACATACAGCCAAGAATGAATGGGGTAACACAAATTATC
CAGTTGTCCCAGGGCATGAGATTGTTGGTGTTGTGACCTCTGTTGGGAATAATGTGAAGAAATTCAAAGCAG
GCGACCAAGTCGGAGTCGGTGATAGTTGAATGTTGCAAAAGTTGTGAAAATTGAGAAGAGGACAGGGAG
AATTACTGCCCCAAATTGGTATATACTTACAATGCACATTTACATGATGGATCGAAGACATATGGGGGATATTC
CGATAAGATCGTCGTCACACCATTGCGTGTTCGAATTCCCACAGTTAACCCTGGCTGGTGACAGCTCCAC
TTCTATGTGCTGGAATCACAGTTTATAGCCCCATGAAATACTATGGAATGACTGAATCTGGTAAGCATTGTTGGT
GTGGTTGGTCTTGGTGGGCTTGGTCATGTTGCTGTTAAGATTGCTAAGGCATTGGGTTGAAAGTTACTGTCA
TAAGTACTTCTCCAAGAAAGAAGGAGGAATCTATTAGCAAGCTTGATGCCGATTCTTTCCTTGTTTCAACTGAT
CCTGAACAAATGAAGGCTGCAACAGAGACAATGGATTACATTATAGACACGGTATCTGCTGTCCATGCTCTCG
ATCCATTGCTTAGTCTTCTAAAGCTGAATGGAAAAGTGATCACTGTGGGTTTACCTGACAAGCCCCCAGAGCT
GCCAATTTCTTCTCTAGTTAACGTTAGGAGGATGGTTGGTGGAAGCACTTTGGAGGGATGAAAGAGACACA
AGAGATGTTGGATTTCTGTGCCGAGCACAACATTGTAGCAGACATTGAGCTCATTAAGATGAATGACATAAAC
AATGCCATGGAAAGACTTGCCAAATCCGATGTTGATACCGGTTCTGATCGACATTGCAAACCTCTTGAAAT
AAATACCACAAAACCTTTCGCTACACAGTTGGNTGTGGCGAACATTTGGTTAACTGTCACGGTTGTAATGTGT
TGGGTCTATCTTTGTTAAGCTAAATAAGAGTGTTATGAGTTGATATCTTTCATCCATGATCATGTAACAATTTTC
TTGAATAAAACTGGCTAGAAGTGAGATTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_579 XM_002872709|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UV-damaged DNA-binding protein 1A (DDB1A), mRNA

TGAAATGCATTTTATTCGCTTGTTAGATGACCAAACCTTTGAGTCCATTTCAACCTATGCTCTCGACACTTACGA
GTACGGGTGTTCTATTCTTAGCTGCTCTTCTCAGATGACAATAATGTATATTATTGTGTTGGAAGTGCCTATGT
TATGCCGGAAGAAAATGAACCAACCAAGGGCCGGATATTGGTTTTTGTGTTGAGGAAGGCAAACCTACAGCT
TATTGCTGAGAAAGAACTAAGGGATCTGTTTATTCCTTGAACGCCTTCAATGGAAAGCTGCTGGCTGCTATTA
ACCAGAAAATTCAATTATACAAGTGGACGCTTCGAGATGATGGTACTCGTGAGTTACAATCTGAATGTGGGCA
CCATGGACATATACTTGCTCTCCACGTGCAAACCCGTGGAGATTTCAATTGTTGTTGGTGATTTGATGAAGTCCA
TATCCCTGTTAATCTACAAGCATGAGGAAGGTGCTATTGAGGAGAGAGCCCGGGACTACAATGCAAATTGGA
TGTCAGCAGTTGAAATCTTGACGACGACATTTATCTTGGTGCTGAAAATTACTTCAACCTCTTCACTGTTGAA
AAAAATAGCGAAGGAGCAACTGATGAGGAGCGCAGCCGCCTAGAGGTGGTTGGTGAATACCACCTTGGTGA
ATTTGTTAACCGGTTCCAACATGGGTCCCTTGAATGCGTTTACCAGATTCTGACGTTGGTCAAATTCCAACCTG
TCATTTTGGCTCTGTCAATGGTGTTATTGGGGTCATTGCTTCACTTCTCACGATCAATATGTATTCTTGGAGA
GGCTCCAATCCAACCTGAGGAAAGTGATCAAGGGTGTGGGAGGACTGAGCCATGAGCAATGGAGGTCTTTCA
ACAATGAGAAAAGAACTGCAGAAGCCAAAATTTCTTGACGGGGATCTAATAGAGTCATTCTCGACCTCAA
CCGCACTAAAATGGAAGAAATTTCTCGGGCAATGGGTGTTTCGGCCGAGGAGCTTTGCAAGAGAGTAGAAGA
ATTGACAAGGTTACATTGATCTCAACCGGGCTGTACTTCTATTCAATTTGATTTATTCAATTGTTTCTCACTAGTC
CGGAGTTACGTTTGGATTTGGATTACTATCTTAGTTTTGATCTAAGAATTATAAACTAATGTGCTGTATATTGG
TGATCTTTGTTCATAGAGCCTTTCTGTGTGCTCTGCTTTATCACAGAGCATATATGGTTCAACATATAGCTAATA
GATCATATTTAAGACTTACACTCCTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_580 NM_001124071|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT1G63770)
mRNA, complete cds

TGTCTTCTCGGATATACCTGAGCGGCCAGTTCATCTTTGTTTAGGGGCTACAGTGCTCCTGTCCGAGTGAAAA
CAGATCTATGTGACGATGATCTATTTTTCTCCTTGCCAATGATTGAGATGAGTTCAACCGTTGGGAGGCTGGA
CAAGTGTTGGCAGCAAAATTGATGCTCCAAGTGGTGGCTGATCACCAGCAAAATAAGCCATTGGTTCTCAACT
CAAAGTTCATTGAGGGTTTGAAGTCCATACTTTGTGACGCGAGCTTGATAAAGAATTCATTGCCAAAGCAAT
AACTCTTCTGGCGAAGGGGAAATAATGGACATGATGGAGGTTGCAGATCCTGATGCTGTTGCTGTTTCGA
ACTTTCATTAGGAAGGAACTGGCCAATGCATTGAAAGCAGAGCTTCTTGCTACAGTAGAAGAGAATAGGAGT
TCAGAAGCATATGAATTAACCATCCTGAAATGGCTAGGCGTGCTTTGAAGAATATTGCTCTAGCATATCTTGC
AGTAACTGAGGATGCTGAGATTGCCAGTCTTGCTTCATGAGTATAAGAATGCCTCGAATATGACTGAGCAA
TTTGCAGCTTTGGCGGCTATAGCTCAGAAGCCAGGTGAACTCGTGATGAGATTCTTGCTGACTTCTATGACA
AGTGGCAGCATGACTATTTGGTTGTCAATAAATGGTTTGTCTTCAAGCCATGTCAGACATTCTGGTAATGTC
GAGAATGTTGGAACCTCCTAAATCACAAAGCCTTTGACTTGCGAAATCCAAACAAGGTATATTCTTTGATTGG
AGGCTTCTGCGGATCAATCGTCAACTTTGCTGCAAGGACGGATCAGGCTACAATTTCTGGGAGACATTGTC
ATGCAACTAGACAAAATTAATCCCCAGGTTGCCTCTCGAATGGTCTCTGCCTTCTCGAGATGGAGGCGTTACG
ACGAACAGCGACAAAACTTGCTAAGGCACAAGTGGAGAGGATAATGTCTGCCAATGGACTGTCCGAAAAATG
TGTTTGAAATTGCATCAAAAAGCTTAGCAGCTTGAAAATATGTATCATTGATCTAATAGGATAGATGGGTTTCAT
AATAATAATATTCTTCTCACCCTCACTTCAGCCTCAATTTAGAAAACAATGCTTGTTGAATTTCAAGTGCTTTT
GTTGTGGTGGATTTTATATTTGAAGGCATCTATAAACTTTTCTTTATTTTTCATCCATTTCTACCATTACTAAAT
AAAAACCTCTTTTTTTGCTTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_581 BT015820|Arabidopsis thaliana At3g57420 gene, complete cds

CTTGAGGTTGATATTACATCTTTCATGGAAGTTGATGTGATCATTAGTGTTCTTTGAATATGATAACCTTGAAA
ATTTACCTCATTTTAGCTTGACGTTCCAAGTTCAGAAATAGGCTTTTAGATTGCATTCAATTTACGATGACAAA
AAAATGATCTTAATTCATGGTTAAAGTTGTCGGTGCCATTGTTCTTTACTTGGTTGGAATTGTTTATATTGAGA
TAAGTTTTTATTGCCAATTACAAAATTTCAATCGAGAATCATCGCTACACAGATTTACAATTATTATTGTTGAAA
ACTTGGAATATTGGCAGTCATAGAATGAGAATGCGTTTTGTATCAATCTGCATTCTCGAGTAGTCTTCTGTTAG
CTTCTCGCTCCAGTTGATTAAGCTTCAAATTAGTATCTTCTAAATATGTTGTTAAATATATTCATAGGTACCTCC
CCAAAGTTTTTCGACACATACAGTGGTGCAGAAGGGTTTTTATTCTCCAAGACGATACAATTTCTTAAGTACTGG
AATTTGCTACAGGCTGACAAATCGAACTCTGGATAACTGATAAGGTATCTAAGTCTTGGACTACTGTCTCAGC
TGAAAGCTCAGATTGGTTTACGAAACAATCGAACATGGTAAAGAAGATAGTTAGCATGATGCCAGTTCATTTT
CAAGTGAGTCATAAGCAATCTGTAGCAAGTGAAAACAGCCTCACGATATGCAGTTCCGAGGTCTTTTACATTC
CTCGACGCTTTGTTTACGATTCTTCTGACCTTCACGTTTGTAGTGGGTGATCTAGAAATTCATCACAAAGGTTGCA
ATTCCTTGTCTTTACGGCAATGGATTGAGTTCAAACTTCGATCCAGTATTGAGTACAATGAACTACAGAGA
AAAACCACTTGCTACAAATCTTCAACTATTTATCCGTTGATGTTCTGCTGTTTATCCATGGAATGTGTCAAG
TGAACAAGATTTTATTAAGTTGGTTCAGAATAATGGCAGAAGGTGATCCACTTCTAGCAGAGTTAGTTTGAGAG
GATAAAAGAAAAAGGAAAAGAGACTTCGATTAATACCTTGGGATTTGGGGGAAACCGGTATATACTAAGCAAA
CTGTTATACCAAAGTCTATTTTTCTTCTTTTTTGGTTGAGAGTGAAGGAAAATTCATTTGTTGACCATCCC
CCCTCCCCACACTTTTTTGTAGAGTTTTGTGTGTTCTCACCATTGTTGTAAGAAAGAAATCTATTCAACTAG
TTCTTTTGTCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_582 AY057521|Arabidopsis thaliana AT3g12300/F28J15_117 mRNA, complete cds

ATAATCTATTATCTCGTTCATTCCACCGCACGTTCTCTCGCCAGAAACGCTGAACGCCGTCGAAACCGAAGCC
TAACCACAGCCGCGCTACTCAATTCGTCTGTCAGCTCACGCGCACTCCAGATCTGAAGTTGCGGGCTTCGAATT
TTGTTGTTCTTCTGTCCTTTTTTCGACGACCAAACGGGAACCGCCGAGCACGACGCCGCCGACTAACACTCACG
CTACCTCGTGAAATCGTTCGCGCTACGGTTGGATATGAAGTTGTACCGGTCGGATCTCACGACTTGAACCCG

AGTCCTGATAATACAAGACAAGACGCTTCTTATTGTGGCTACATTGCAGCCTGCGGCGTGTAGCTGCTGACTG
TCTTAAATGTTCAAAAATACGTTTCAGTCCGGATTCTCTCTATATTATTAGTCTTGGGAGCAAACCTCTCCA
GATATGGGATAAAGAAGTTTCTAATGGCCACATCAAACGCCCTCAAGATGAAGACATCCAATCAAACGTTCTT
GAAATCGTTGGATCAAAAATTCAGGCGACTTATATAACATGCCAGCGGATCCAGCTTCTACACTAGGAATAA
AATTGCCATTCTTGTTATAATCGTGAAGAATCTCAACAAATATTTTACTTTTGAGATTCAAGTTCTGGATGATA
AGAATGTCAGAAGACGGTTTCGAGCTTCTAACTTTCAAGTGTGCTATCACTAGAGTTAAGCCATATATCTGCAC
CATGCCTCTTAGGATGGACGAAGGTTGGAACCATATCCAGCTAAATCTGGCTGACTTTACTAGGAGAGCATAT
GGGACGAACATATGTTGAGACATTGCGAGTTCAGGTACATGCAAACCTGCCGCTGAGGAGGATTTATTTTGCTG
ACCGCTTGTA CTGAGGAGGAGCTTCCACCAGAGTTTAAGTTGTACCTCCCTACGCAGAGAGCTTGACAAGG
TTTCTGGCGGTGCTTTTACATCTTGGTGAGCTTGAAGTTGTACTCTTTCTAGAAGACTATCCTCATTATACA
CCCAGACCGAATGAACTAATGACTATGAAGTATGTGTTTCGATCTAAATTCCTATTGAACTTAGTGAAGTTGAG
GACGTTTGTA CTGATTGCCCTGAACTTTTACACCGTAATGAAACCTGAACATGACTAATTTGTAATTATAT
TTGTAGGCTTACTCTTATAGAATTTTGTGCTCTTCAGTTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_583 AJ011589| Pisum sativum mRNA for bifunctional 5,10-methylene- tetrahydrofolate
dehydrogenase and 5,10-methenyltetrahydrofolate cyclohydrolase protein

ACACAAAATTGCACACGGACGTACCCATTTCTCGCCAAACACAATCAGACCGCCCAAATCCAAGCCCATCGGA
TTTCTCTCCACCGATTCCATGGCTGCATCAACTACTGACTACACAATCAATCCTTCTCAATCTCACCTCGTCTAT
TACATCGTTCTCTGAGCCATTACCTCTGGCAGCTGCAAATTCAAATCAGAAGTAATAACCATTTTCGTTTTCTAA
CTTGCAAAAATGGCGTCCGAATCCGACCACAAAGCTACAATAATCGACGGCAAAAAGATCGCACAAACTGTCA
GATCTGAAGTCGCGGAGGAAGTGAACAACTCTCTGAGAAATATGAAAGGTTCCAGGACTGGCGGTGGTG
ATTGTGGGGAATAGAAAGGATTGCTTACCTATGTAAATATGAAGAGGAAGGCTTGCCTGGAAGTCGGGATC
AAGTCTTTTGAGATTGATCTTCTGAGCAAGTGTCTGAGGCTGAATTGATCAGCAAAGTCCATGAGCTTAATG
CCAATCCTGAAGTACATGGGATATTGGTTCAGCTTCCTTTGCCGAACCACATAAATGAAGAGAAAGTTCTATCT
GAAATTAGCATTGAGAAGGATGTAGATGGCTTTCATCCTCTGAACATTGGGAAGCTTGCAATGAAAGGCAGA
GATCCCTTGTTCTACCTGCACTCCGAAGGGGTGTCTTGAAGTGTGTCGCGAAGTGGAATTAGCATCAGAG
GAAAGAAAGCAGTTGTTATGGGGCGAAGCAACATTGTTGGATTACCAGTTTCATTGTTGCTTCTTAAAGCAGA
TGCAACTGTCACAATCGTCCATTACGTTCCGTTGATCCAGAAAGTGTATCCGCGAAGCAGACATTATAATTG
CTGCAGCAGGACAGGCACAAATGATCAAGGGGAGTTGGATTAAACCAGGTGCTGCAGTCATCGATGTCGGTA
CAAATGCAGTTGATGATCCAACCAAGAAGTCGGGCTACCGGCTGGTGGGGATGTAGATTTCCAGGAAGCTT
GTAAAGTAGCTGGTTGGATAACTCCGGTTCGGGTGGCGTAGGTCCTATGACTGTTGCCATGCTGCTTAGGAA
TACTTTGGATGGGGCTAAGCGTGCGATCGAGCAGTGAAAAGACACCGCAGCTTGTTACCGATCCTCGTGGG
ACTTTTTCGGAGTAATTTCAAATAAATGGTTCGTTTGTGCTATCTTTTTTTTGTACTAATAATAGTTGAT
TTTTATTGAAAATAATGGATTAATTAATAATCAAATCAAACACACCCCAATGTTGAAAAT

>trans_s_584 BT012167| Arabidopsis thaliana At5g26330 gene, complete cds

ATCACACTTCACTTCACATCCACAATTTCTTCTCATCTCTCTAATATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCCTCC
CCTCCATGGGTTCTGTGAAGATGCCTTCCCGTTCTTCTGGATCTCCACAATGGCGCTTTTACACTGTCGGTAG
CTGCTACCGTCCACCAAGTAGGCGACTCTCCGGTTGGACCACTCTCATCCCCGTCGATTATGCCAAATGGGCT
TCTTCCCAAAAATTCCATGTCGCGGACTCTCTTCTGTTTAAATACAACAACACGTTCCACAATGTACTACAAGTG
ACTCAAGAACAGTTCAAAGCTTGCAACTCATCTTCTCCGGCGGCGTCGTACAACCTCCGGCGCAGATTCCATCCC
TTTGAAAAGACCTGGAACCTTCTATTTCTCTGTGGCTTTCCAGGGCACTGTCAATTGGGGCAGAAAGTGAA
GTCAAAGTTACTTCAGCTTCATCCTCTCATTTACCTGCTCCCTACCAAGCCCAGGCCCAAGCCCAAGCCCAATG

GGCGGCCCATCTGCATCTGCTCCACCCCAAGTGCTGCTTCTACTCCCTCCTCTACTTCTTCTCTATGCTTTGCC
TCTCTTTGGAATTTGCTTTGTTGTACTTTGTGGTTGTTTGAATTTCAATGCTTCTTCCACTTGCTGTGTTGTTTGT
TCTAGCTTTATATAATTGTACTTTGAATGTTGGAGCAAGTTCTAAATGTTGTTGTTTCTTGTTTGTATCATCATGC
TATGTATTTTCGCACCTAATTTGCTTGTTGATGTTAAGTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCTAAAA
AAATTAATCAACCCCATACCCGGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCTTTCCCCCATAGGGGTTAAAAAATGGG
GCTCCCTGGGCCAATTTTTTAAACCCAGGCGGGGAAAAACCCGGGTTTCCCAATAAAACCCCTTTCCA
AAAATTCCCCTTTTCCAAATGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCAATCCCCTCCCCAAATTTGCCAC
CCGAAAGGGAAGGGAAACCCCTTTAAACCCCAATTAACGCGGGGTGGGGTTTGTTTTTTCCCTTTTGGG
CCCTTTACTTTGGCTACCCCCAAAAGCCCCCCCCCTTTTGGTTTTTTT

>trans_s_585 NM_103136|Arabidopsis thaliana STT3B (staurosporin and temperature sensitive 3-
like b); oligosaccharyl transferase (STT3B) mRNA, complete cds

ATGTATGGTCTCACTAGCATGTACTTTGCTGGAGTTATGGTAAGATTAATTCTTGTTGCTACACCTGCAGTATG
TCTTATCAGTGCTATAGCTGTCTCTGCTACAATAAAGAACTTGACCCAATTATTGAGAGCTAAACCAAAGGTTT
CTCAGATTAGTTCTAGTAAAGGAGTCAGCAATGCGAAGAGTCTCTCTAAGGGATCTCTTGATCAATCCAGCC
TTTCCAAAAGAATGGTGCTATTGCATTACTCTTTGGTGCTTTTTACTTGCTTTCAAAGTATGCAACTCACTGTAC
ATGGGTCACTCAGAAGCTTATTCATCTCCATCAATTGCTTGGCTGCACGGGGTGCTCATGGGAACAGGGTT
ATCTTTGATGACTACCGTGAGGCATACTTTTGGCTCAGACAGAATACTCCTCAAGATGCTAAGATAATGTCATG
GTGGGATTATGGTTACCAGATCAGCAATGGGAAACAGGACTGTCATTGTTGACAACAATACCTGGAATAAT
ACCCACATTGCTACTGTTGGACGTGCTATGTCTTCTTATGAAGATGAGGCATATGAAATAATGAGATCACTTGA
TGTTGATTATGTGCTAGTTGTCTTTGGTGGTGTGACCGGCTATTCATCAGACGATATTAACAAATTTTGTGGA
TGGTGAGAATTGGAGGCGGTGTTTTCCCGTAATTAAGAGCCCCGATTATCTGGTGAATGGAGAGTACCGAG
TCGACAAAGGAGCAGCTCCAAGATGTTGAATTGTTTAATGTACAAGCTTTCATATTATCGGTTTGGGGAGTT
AGTAACAGAATATGGCAAGCCTCCTGGGTACGATCGTGCCAGAGGAGTTGAAATTGGCAACAAGGATATCAA
ACTTGAGCACTTGGAAGAGGCATTACCCACATCTAATTGGATAGTTTCGTATTTATAGAGTCAAACCACCGAAT
AACAGGTGGTGATTGCTCTTTTTCCCGAACCCCTCTTTGGAACGGCTACGAGTCAGATAGAACTCTGAGCAAG
AGCGTCTTTGACATAGTGTATTCTAGGCAAAGAAAGTAACTGGAATTTTGTCTTTACAACCTTGAGCTGTAG
TATCGAATGCGTCAATATTTGAAATCTTTTTCAGAGATTACGATGGATTCCTTTCTCTTTTTTTTTTTCTAT
GATTGGAAAAGGCAAGCTTTGAACGGTGTGAGTTTTGTTGAATATACAGCATCAAATTAATTTGAATCTAT
GAGAAAAAGCACCTCTACTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_586 AY305724|Gossypium hirsutum actin (ACT2) mRNA, complete cds

CAAATCATGTTTGAGACATTCAATGTGCCTGCTATGTATGTTGCCATCCAGGCCGTTCTATCACTGTATGCTAG
TGGTCGTACAACAGGTATTGTGCTCGACTCTGGTGATGGTGTTAGTCATACTGTGCCAATCTATGAGGGTTAT
GCTCTTCCCCATGCTATCCTCCGTCTCGACCTTGCTGGTCGTGATCTAACTGATGCTTTGATGAAGATTCTCACT
GAGAGAGGGTACATGTTCAACAACCACTGCCGAACGGGAAATTGTCCGTGACATGAAAGAGAAGCTTGCTTAT
GTTGCACTCGACTATGAGCAGGAACCTTGAGACTGCTAAGAGTAGCTCCTCAATTGAGAAGAACTATGAACTGC
CCGATGGACAAGTCATCACAATTGGAGCTGAGAGATTCCGTTGCCCCGAAGTTCTTTTCCAGCCATCCCTCATT
GGAATGGAAGCTGCTGGAATCCACGAGACTACCTACAACCTCAATCATGAAGTGTGATGTGGATATCAGAAAA
GATTTGTATGGCAACATTGTTCTCAGTGGTGGTTCTACCATGTTCCCTGGTATCGCTGACCGTATGAGCAAAGA
GATCACAGCTCTTGCTCCAGCAGCATGAAAATCAAGGTCGTTGCACCACCGAAAGGAAATACAGTGTCTG
GATTGGAGGATCCATCCTTGATCGCTCAGTACCTTCAGCAGATGTGGATCTCAAAGGGTGAGTACGACGAA

TCTGGCCCATCCATCGTCCACAGGAAGTGCTTCTAAGTTCAATATGTGCTTTGAATGGTGAGTTATTTCTTTA
GTTGGCTTTTTTGTGTCATGTGTAATGTGAACTCTTTCCGGTTGAGCTCAGATACGGGTCATGGAAGGAGGGT
ATATTTCTGAGGTCATTCATTCATATGCCATTGCTTTCCCGCCTAAACCCCTATGAGTTTGAGATTCTGAAT
ACTACTGTGTATTTACGGGTTAAGAAAGTAATTGACCCTCTGGATGTTTACACTGTTGTTGGTGGGCAAAAACA
ACTTTCCTTCCAAAATCTTTCCCTTGCTACCTTTGCCAAATCTGTGCTTGCAACCATGTCCTTTTCTTAGTAGG
AGATGATTGTGATGTTTTTTTTCTTTACCTTTATCCTTCTCTTATCTCCTCCTATTTCTATTCCGAGTTCTTTCT
CTTTTTTGAAAACATTAATGTTAATAGTTATTGTAAGACAAATATTAGTCAGTTTGCTCCTTGAGGTCATAAAC
TTAGCTATGCAAAATGATATTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_587 D14699|Ipomoea batatas mRNA for F1-ATPase gamma subunit, complete cds

GGTCTCAAACTGAGTGAGAAGCGTTTGAGCTGGGCTCGCAGCTATTGAAAAAGAGAGAACAACCCCTTTTCG
TCGCTCTTATTTCTTCTTTGATCTGAAATTTCTGTTCCGATCTCGCTTTAGGACGCAATGGCCATGGCAGCT
CTCAGACGTGAAGGGAGGCGGCTCACTACTGTGATCTCCCCTCAACCAATCACCGCTCTTCGGTCTTCCCTCCT
TTACGAGGAACAAGCTCCTCTTGGTGTACGCTCCATCTCCACTCAAGTGTTAGAAGTGAAGAGTGTG
AAGAATATCCAGAAAATTACAAAGGCCATGAAGATGGTTGCAGCCTCTAAGCTGCGAGCAATTCAAGTGCCT
GCTGAAAATTCTCGTGGCCTTTGGCAACCATTTACTGCGCTTCTGGGGATAATCCAAGTGTGATGTAAAGAA
GAATGTCATTGTTACCGTTTCTTCTGACAAGGGTCTTTGTGGTGAATCAATTCTACCTCAGTCAAGATAAGCA
GGGCTCTGCACAAATTAAGTTCTGGTCCTGAAAAGGAAACAAAATATGTTGTATTGGGAGAGAAGGCAAAGG
CTCAGTTGGTTTCGTGACTCCAAAAAGGACATATCAATCATCTTCACTGAGCTGCAGAAGAATCCTTTGAATTAT
ACCCAGGTCTCTGTCTTAGCTGATGATTTCTAAAGAACGTAGAATATGATGCTCTGAGGGTTGTTTCAACAA
GTTCCAGTCGGTTGTCTCATTTCTTCTACAACATCTACCATCCTATCTCCCGAGGTTGTTGAAAGAGAGGCAG
AATCTGGGGGAAAGCTTGGTGACCTGGACTCTTATGAGATTGAAGGCGGTGAGACAAAGGCTGAGATTCTCC
AAAATCTAGCAGAGTTCCAGTTTTCTGTGTAAGTGTTCACGCCGTTTTGGAAAATGCTTGCAAGTGAACAAGGT
GCAAGGATGTCTGCAATGGACAGCTCAAGCAGAAACGCCGGGGATATGCTTGATCGCCTCACATTAACCTATA
ACAGAACCCGGCAAGCGTCTATCACACCGAGTTGATTGAAATTATATCTGGAGCTTCGGCATTGGAGGGCTA
GTTGCCAGATCTTCTGCCGGTTCACACAATGGTTTGTGAAGTACGAGGCTATATTTGATAATGACGAT
GTTGCCCTTCTGAGCTTTTTTGAATAATACCCAGTTTCAATTCTATCCTGGGAAGTATGTTTGTGTTAGATATC
AATTGATTTTCAGATTGCTTCATCCTTTTTCCAACCAAAGCCCCAATTGCTT

>trans_s_588 NM_202056|Arabidopsis thaliana leucine zipper factor-related (AT1G07840) mRNA,
complete cds

ATATCTCACCTGTCTATCGTGCACCTTCGTCCAACCTCCAGCTGCCGTTTAGCCGCTCATCGGTCTGTACGAAGCCT
CGCCGATCCCGCTGCCAGTGTCTGACTGCCGCCAGTTGCTGCTGGCCCCGTTTTTTCGGTTGCCTATCTGT
GGACTGAGTTACTCAAAGCCCAAACAGTTACTTCACGTAATAAAAGACGGAGTGAGTGAGAAATTTAGCA
TTTAAATTCCTGCGATGGAGGAACTGAGGAACAAAGAAGCTTCTCAACTAACTGCATTGCTAAAGGAAATGAA
AGAAGGACTGGACACGGTCACTAATAAAGTCCAGGCTTTAACGGCAAAGGTAAAATCAAACCAGCTTCCGAC
ATCAGATGGGATAAGCTATCTTGATGCCAAATATCTTTACTTCTAAATTATTGTTCTTCACTTGTATACTATTTG
CTCCGCAAAGCCAAGGGTTTCTCAATCGAGGGTCATCCTGTCTGTCAGGAGTCTTGTAGAGATAAGGTTATTTT
TAGAGAAGATTGACCTATTGATAAGAAGCTTGAGTACCAGATTGAGAAGCTAACAAAAGTTTCTGTTGTGTC
AAAAGAGAATGCATTCATGGACGAAAAGGATTCTGCTACACCTCAGGATGTGGATGATCGATTAATATATCGT
CCAAACCTGACATGCTTGTGAGTAAAACAGAAGGGACTGCTGAGGATGGAGATGGTATATATCGTCCACCA
AAGTTTGCCCTACTTCTATGGAAGAAGATAAGAAGTCTCGAAAGGAAAGAAATTCATGAGAAAGGATTTAC
AGACACTCCGACAAGCTAGACAAAGTGATTATATGAGGGAGCTGATGGATGACATGGCTGGAAAACCTGAAG
AGATTAAAGAATCCGCTGGACTGGAAAATAGAGAAGTTGCTAGATATGTGGCAAGAATGGAGGAACGTGAC

CGAAGAGAAGAGGAGCTTTTCACTCGTGACCGCTCACAAAGATGGAGAAAAAGAGAGAAAAATACCTAAA
GAAGTCTAGATATGGGATGGGTGGTGTAACTGATAGTTTCTATGAAGAAGTGAAATCCTTGCCCTTGGAAGG
TGCTGATGATGAGCAACCGACAGATTTTGGTAGTGGTAGCGGCAGAATGAGAAAGCATAAGAAACGCAAGG
GTAGGCATTGAAGACCATGTCATATCANGATGATGGGAAATACTTCGGGACAAAATTGTATGTCAATGTGAA
AATCCCTATATCTTTGGGTGAAATTTACTATACTCTTAAGAAGGTCTTTTATTCCTATGAAAGTT

>trans_s_589 NM_001069214|Oryza sativa Japonica Group Os09g0250700 (Os09g0250700)
mRNA, complete cds

ACACCAAAGATGCCCACCACAAAATGGCTCGTAAGAAAGCACAGATTCATAGCTGTCCACGACGCTCCAATTT
CCCAATCAAACAACATCTTCTTCACGTTTTTGTGTTCTCTGCAATGGGTCAATTCGCTTTAAACCATAGCACT
ATACTTAGATGGCGGCAACATTGGCTTCCCACAGCTGTTATTGCCGCGAAACAAAGTTAAATGAGGGGAAAG
GGAAACAAGCCTATGATCTGTCTTTTCAAGATCAATTTCACTTCATACATTCAACAAGATTGAGAAGTCAACT
TGGAGTCTCCAAGTTCTCAACATTTCAAGCTTCAAAAATGAAATGCAGCAGAATACATCGCCCCCTAGGTTTAA
TACTATGGGAAGAACTGTTAAGATGGTACCCATAAATGAAATAGTGAAAAAGAGAGCTGTATCTGCCAACAA
ACTTGAGAACATAAATGGTAAAAAGCAAGTTATCAATGGGACAAGTATAGTTAAGCGCAGCCCGTCTCCACCT
TTGGTTAAGGGAACAAATGTTGCAGACTCAAAGAAGCTCCACCAATTGAGGATCTTAAGGTTTTACCCTCAG
ATGAAGGTTTCAGTTGGGCTAATGAAAATTATACTCTGTGCAAAGGAGCATTGATGTCTGGAGTTTTGTCTAT
TTCCTTACGAGTCCGAGTTTTCTTAGAAACTACAAAATGGACATATGCTGGAGGTTTTTCAGAAGATAAGCAG
AAGAAAAGAAGGCTAAAGACTGCATCTTGGTTGCGGGAGCTGCGCTGCAGCTTGGCCCTACTTTTATTAAGCT
TGGACAGCTCTCCTCAACTAGGTGAGTCTGTTCCCTCGTGAGTATGTGGATGAGCTTGCTAAATTACAGGATA
AAGTCCCTGCTTTCTCTCCAGAGAAAGCAAGAGCATTGATTGAGAGTGAAGTGGCGTCCCCATTGATACATT
GTTTCAAGAGAAATTTGAGGACCATCCTATTGCTGCTGCAAGTCTTGGTCAGGTCCATCGTGCAATACTCCATAATG
GGGAAAAGGTGGTCGTCAAAGTCCAAAGGCCTGGTCTCAAGAAGCTTTTCGACATTGATCTACGGAATTTGA
AGTTGATTGCAGAATATTTTCAAAACAGTGAAACTTTTGGTGGTCTACCAAAGATTGGATTGGTATATATGAA
GAATGCGCTACGATTTTGTATCAAGAAATTGACTACATAAATGAAGGCAAAAATGCTGATAGATTTTCGCAGGG
ATTTTCGTAATATAAAGTGGGTCCGAGTACCTCTTGTCTTTTGGGACTACACTGCT

>trans_s_590 NM_001059234|Oryza sativa Japonica Group Os04g0403500 (Os04g0403500)
mRNA, complete cds

GGAAAAATCTGAGACGAGTGTTTCATTAGGAGCTTCTTCTACCACCAGCAAGTCCTTCACAAAAAGAAAAATA
TCCATTGCCATAGCTCCACAACCAAGCTCTTCGCCTATCAATTTCTTCCATCCACCATCTTCCATTTCTCCTTCCCT
CATCATCCACTCCAATCCCCACTACAACATGGCCTCGATTTTCTTCTCACCTTCTCTCCTCTGCTTCTCCTCTC
TCAACACCTTCTTTCAACCTCGCTCCCACCTCCACTTACAACCCCGTTCTGTGTCGATTTGGTGTAGATGTAGT
TATGCGGACGCGGGAGTGAGAGAAGATTATGCGCCAAATACTATAGATGTTGTTGCGGATGTTAAGAGTGAC
AAGGTTGTGGTAATAGGAGGTAGCGGATTTGTTGGTTCTGCTATATGTAAGGCGGCAATATCCAAGGGCATC
GAAGTGGTTAGTGTGAGCAGGTGAGGTGCTCAAGTAATACAAGTTCATGGGTTGATCAAGTTACTTGGGTTT
CAGGAGATGTTTTCTACCTCAACTGGGACGAAGTACTTGTGGGGCTACGGCAGTGGTCTCAACAATTGGAG
GTTTTGGCAGTGAGGAGCAGATGAAAAGAATTAATGGTGATGCCAATATTGCGGCTGTCAACGCAGCATATG
ATTTTGGGGTTCCCAAATTCGTCTTAATATCAGTCCATGATTACAATCTGCCTTCATTTCTACTTTCATCTTCATA
CTTCACTGGAAAGAGGCAAGCAGAGTCTGAGGTCTCTCCAAATTTCCAAGATCTGGCGTTGTACTTAGACCT
GCTTTCATTTATGGAAAAAGGAGGGTAGATGGTTTTGAGATTCCCTTGATTGGTTGGAGAACCAGTGGA
GGTTTCTGTCTGTCTTTGGAACTTCATCAACCTCTAAGTTCTATTCTGCTTCCGACGTTTTTCTTGCTCCCCC
CGTCAGTGTGGACGATTTAGCACTTGCTACTATCAATGCGATCACCGATGACGATGTCTTTGGTGTTCACAA
TTGAACAGATCAAGGAAGCTGCAGCAAAAGTGAAAGCCTGACATAATTCTCTCTCAGTTTCTGCTGAAGAAAC

ACAGCATCTCTCATGGTTTGGGCAATATCATAATGAAAATTAGCTTCTTTAGTTATAGTTATCTGATGGCCGAC
CTATTTTATAGTACTCTCAAAACATTCTTCTATATTGCTATAGTTTCATATATTGAAATATAGGTTACCAAAATTA
TATTCTTTAGTACAAAAA

>trans_s_591 XM_002870675|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

TTTAAGCGGGCCGGCCGATGCCCCCTTCTCTCGTTCTCCCGTTGTCTTCTCGTTTCGATCCACTCCGAAAGACA
CCCAATCTGGTTCGGCTCTTACCAAGTGGCTTTGCAGCTCCAACCTCTCTCTATAGACTTTCTTTTCATCCCCCTC
TTTCCACTTTTAACTTCACTTCACCGATTTAGGTCTCTCTATTCTTCCATTCTTAATCACCCCATCTTTTTAAAA
CCCCCACTTTCTTCAAATTTCTTTTTTTGTTTCTTTTTACCTCGTTCTCGCATTTTTATAGCTTCTTAATCATCT
GGGTCTTTGGATTCTTCTGGGTATTACTGTTTTTCTTCTGTTTTCTTTGTCTTGATTCTAGGGTTTTAAATTT
CCCATTTCATACACCTCTGATCTTCTTGTAAATTGGAAATTGGAAATTTGGTTTCTGGGCTTTGTTGTTTCTC
TAATTTACTTTGAGGATTTTGAGTTCTAAGGCGATGTCACAAGGGTTGCGATCGAGCTTTATTTGATCCAGC
ACTTGAAAACCAAGTTCTCAAGGCTTGAATGTACTAGCTCGCCGTCAAATTAGTACCCAACTCATCGAAATTG
AGTCACGTCCTCACATTACCCTTTTCTTACCCCGTTTCTCGAACCCACAAAAGTTGAATCCATCGTTAAAAATT
TCGCTTCTAAACAGGAACCTTTGGCTTTGTCTTTATCGTCAATTGGCAGCCTTCCCAGTGACAACAACATTCTCT
TCCTCGGTCCAGCACCTTCGATTTCACTTCTTCAATTCAGTCCCAATTGTGTGAAGCAATGAGGAAAGAAGGA
ATTGAAATTGGTGAGGAATATCGCCTTGGTTCGTGGATTCCCCATTGCGCTGTTGCTCAGGAGGTGCCTAAGG
CTCGAATGGCTGAGGCATTTTGTGTTCTAAGGGATTTGAAGCTACCAGTTTCCGGGTATGCAATTGATATTGG
GTTGGTGGAATTTCCCTGTTCTGGGAGCTGTTCTTTTGTCTTGGTAACACTGTCGAAGCTTGAAGCTTTG
ACGCCATTGTTGTGCTTTAATCTCATAGTTCTTCTCTATGAACCTGTATAACCTCAATTTATTGTAGCTGTTTTA
GAGGTCCTATTTAGACGCTAGAGCATTACAAATAAGGATGCATTTTGTATTTGTGTTATGAATTTGATATTTCT
TATATTGTCTTCATATTTACAGTGAAATCTACGTGCTAGTGCATTTAATAAACACAGTTGATTGATTATTAGTG
AGTGAGTGAAGAGGAAAAACCTT

>trans_s_592 X79329|M.indica (cv Manila) AOMI 1 mRNA

CGTTAACCAATTTGGTCCATTTGTTTTCACTTCCAGAGATGAATCGGATTGTGATTAGGAGTCTTGTGAGGGGT
TTGGTTCATAGCCGCAGCTTTAGCTCCGTCGCCGGGGTTCCCGGTGGTGCTCGTATGAAAGTTACTTTCGCCGC
GGTGGCATCGCCGGGGACAAGGTTACAGCCATCGGCGGATGGCGGATTCCAGTGGAGAAGGTTTCTGAATTC
GTCGACGGCGGTGGCCGAGGAACAGGGGAAGGTTAAATCAGAACAAGGGGTAAAGGATATTGAGAATCCTC
AGGAGAAGGAAAAGGAGAAAGATAATGCTCTGGTTTCTAGTTATTGGGGGATTTACAGGCCGAAGTACTA
GGGAAGATGGATCTGAATGGCCTTGAATTGCTTCATGCCATGGGAGACTTACAGAGCGGATTTGTCCATAG
ATCTTGAAAGCACCATGAGCCCAGAACTTTCTGGACAAAGTCGCTTACCGAGTTGTGAAGCTTCTTCGGAT
CCCAACAGATATCTTCTTCCAGAGACGCTACGGTTGTCGAGCAGTGATGCTCGAGACGGTGGCAGCAGTGCC
GGGAATGGTTGGAGGGATGCTGCTGCATCTGAAGTCTCTGAGGAAGTTTCAGCACAGTGGGGGGTGGATTA
AGGCCCTGCTGGAAGAAGCAGAAAATGAGAGAATGCATCTCATGACCATGATTGAGCTTGTGCAGCCTAAGT
GGTACGAGCGGTTGCTTGTGATCACAGTGCAGGGAGTCTTTTTCAATGCCTTCTTTGTGCTCTACTTGATGTCC
CCCAATTGGCTCATAGAATTGTGGGATATTTGGAAGAGGAAGCTATCCATTCTTACCCGAGTACCTGAAGG
ATATCAACGAAGGAAAAATCGAGAACGTTCTGCTCCCGCCATTGCCATCGACTACTGGAGGCTGCCTAAGGA
TGCAAGGCTGAAGGATGTTATCACAGTCATTCGGGCCGATGAGGCCCATCACCGTGATGTCAACCATTTTGCT
TCTGACATCCATTTCCAAGGGAAGGAATTGAGAGAATCAGCAGCCCCTCTAGGATATCACTGAATTCATATTCT
TTTTTCTTTCTTTTTCTTTTACCTGTTTTTCAATTATAGCCCTAAAAAGGTATAGTATTTGGTTTTATGTTGTT
GAGGTGTACAAGTGGAACGTCTCAATTTTATGATGTGTTGTAATTTGTACATAGGTTTCCCTCTTGAAAATA
TCGTCCAATAAAGACAGGCCTCATAAGTTTACTAGCATATGGTTTTATGATTCTTAAA

>trans_s_593 NM_001050527|Oryza sativa Japonica Group Os01g0702000 (Os01g0702000)
mRNA, complete cds

ATGAAACTCAAATTTTAGAATGAATTTGAACCCAAAGGTGACAAATTTAAGAGTTTGGATCAAACCCATAATTT
ATTTAACCTCCAAAAAGGGAAAAAGAATTATCTTTGGAGAAAGAAAGAAACTTCATCATGTTTGAAGTTGTG
GAGGTTTGTATTGTGCCTCATCATCTTCCTTTCATCGTCTTTGTCCATTTCTCAAATCTCTTCTCTTCAAATCA
ATTCAGCAGATTGAAAACAAACTCTCTGTATCAGCGAAAAATAAGCGCTTTTCAGGCCAACCCCACTTCACC
CAACTTCCCAACTTTCCCTTTTTCTTCTCAATCTCCATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCTCCTC
TATTTTTCTTGTAAATCCCTTATTACAATGCTGGGTTTGGCCCTCACTTCCGTCTTCTACCATTTCTTTGGA
TCCGCCATAGCCATGGATCACCCCTCTGCTTCTCGCCCTTCTGTTCCCTACACTTCTCTTTCACCGATCGCGTC
CCAATGCGGTTCTGTTCTCGCCGCCCAAGTCGATCCTCATTTCTTGTCATCTTCTCGTGATAGATCCACCAACA
GTGATGATGATGATAATTCCCATCAGGATTATTTGAAGCTTCATTTCTTGTTTCAGAACTATCTATCACTATC
GAATGTGGAAGAAGAGGTTTCAAGAGGATGTGAATTTCAACCAGAGAGAATCTCGTGCAATTCTCCTTCACT
CGGACTGGGGTTTTTTAGACGTTTCCGAAGCCCCACTGTGTTCTCAAATTTCTTGCAATGGAGACTTTCTAC
TGCCAATTGTCGTTGGGGAATATGCTATTGAGAACTTATTGATTGTCAGCTTGGGATTGAAAATGGGGAGGC
CCCAGATATTTTTAGTTTATACAAGGCCTCATTGTGAAGGTTGGCTATGAGGCCATCACAGCGAGAATTACTG
AAAGAGTGGTGAATACTTACTTTGCCGGCTCTTCTTGAGAAAGGAAGGGGAAAGTGAGATGTTAAGTGTTG
ATGCACGCCCCTCAGATGCCCTAAATATTGCATATCGGTGTAAGATACCGGTACTTGTTAGTAAGCAGATTGTC
TTTGAGGATGCGATAAGAGTTAGTTACGGGTTTGAAGAGTGACAGAGAGGAAGTCATGTTTTGATGTTTTA
CTTGACTGTGCTGCAGATGGCCAGATTTCTGTCCGAGGAAGTTCGATATGTTGAAGAATATGAAAATTGCCA
TTTATGAAGAACGGTACAAAGATGCAGCCATGTG

>trans_s_594 AL161596|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 92

CATTGAAAATCCTTCCTTCTTCCCACTTCCTTCTACCTCACTCACTCTACAAATTCTCCATCTCAATTCAATGCAA
ATACTCTCTCCTTTTTGTGTTTGAACCTCAATCTATTCTTTTAGAGAAGAACCAGATTTAGAAATGGCTCGA
GTTGGGAATTTAGAGCCACAAAGGTAATCTTCTCTTCTTGTGTTTGGTTCTTTTGTCTCGGCTTTTTCTTAT
GTGTGCGCGCCGAATCTGAATCTCGAAATGGAGAATTGTTTGAAGAGGTAGAAGAATTTGGAGTCGGTGG
AAGAAGATGAGCCGAAGAAGAAGAAGTCTAGTGATGCCTTACCCACCAAACTCATAACAACAAGCTCATT
AAGCTCCCATCCAATCCTCAAAAAACCAACCAAGCTTATTAAGAATAGTTTGTGACCAAGAACAAAACCTATG
CTTGGAAGACTACCAATTCCACCAAACTGACATCCAGTGGCATCCTTAAGGTTGGGCTCAAGAAGCTTAATTC
CACCGCTAAGCTCAATTACACATCAAAATCCTCAATTCTACCAAAACCACTTCACTCTCTGCCAAGAAATCCTC
AGATCTACTCAAAATAAGCACACCCCAAGAACAAAACGACAACACCAATTCCTCAAAACAATCCCAACCACC
CATCTCGACAAAACAAACAAAGAGCAGAAATCAGAGAAGAAGCCGAATGAGGAAAAACCAAAAAACAAGT
ACAGGCCAAAGCAAAACCCAGTTGGGTGACGATGACGAAGACGACGATTTAGTCTCGGAGTTCAGAGATCT
ACCCACGAAATTTAGAAAATTTGATCCAGACCTGGCGAGAATCTCCACCACTTCCAAAGCATACATTACTA
AAGCCAACAAACAAATGACAATGGGATTCAAACCCATCGTGGGTAACAAATACGCTCCACAATCGTTCTCT
AACCTCCTTCGCATTCATTTGATTCCGTTAATCTTGGTTAGTCTTTTATTCAATCGGATCAAAGCTTATTTCTCA
CTCCAAAAGTTACTGATATTCATCAAGTCTACCTAGCAATCTACTTCGGCATCCTGTGCTTATCGTCGGTGGT
GACTGGGCTGGAGCCCCTAAAATTTTTCTACGCCACCTCGCAATCAACCTACATTTGCTTGCAGGTAATGCAAA
CCCTTGATACATCTTGTATCTGCTGCTTCTGGTGATGTACCTGGTGCTGGTGTTCTCCACCGATTGTGGGCTG
GGCTCGAGGATGTTGGGCCTGGCCAAACCTTCGTTGGGTATG

>trans_s_595 NM_180185|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family
protein (AT3G05090) mRNA, complete cds

ATCCTGACAAAGGATGCTGCTGGTTCAGTGAAGCTATGGGAGGTTACCAGGGGCATTGTAATTGAGGATTAT
GGAAAGGTCTCATATGAAGAGAAAAGGGAAGAGTTATTTGAGATGGTGAGCATTCTGCTTGGTTTACCGTG
GATACCAGGCTTGGGAGTTTGTGCGTTCATCTTGACACTCCCCAATGCTTTTCTGCAGAGATGTATTGAGCGGA
CCTTAATATTACAGGAAAGCCGGAAGATGATAAGGTTAATTTAGCTCGAGAAACCTTAAAGGACTTATGGCT
CATTGGTTTGCCAAAAGAAAACAAAGATTTGGGTCACAAGCTTCGGCTAATGGAGATGTTCTTTCTGGGAAG
ATACTAGTGCAAGAAGTCTTTCCATTCAAGGCTTGAAGCTGATGGCAATGCTGAAAATGATTCAATGGTCTA
TCCTCCATTTGAATTTTCAACAGTTTCTCCTCCTTCAATCATTACGGAAGGTTACAAGGTGGTCTTGGAGAA
GGAAGATTACTGAATTGGATGGTACAGAAGATGAGAAAGACTTTCCATGGTGGTGTGGACTGCGTGTTGA
ATAACCGTCTACCTCCAAGAGAAAATACCAAGTGTAGCTTTTATCTACATCCTGCGAAGGTTTATCCATTGAG
ATCCTTACACAAGGAAAGTCTAGCGTCTCTCGTATTTTGAGAGTGCATAAGGTTGTAAATTATGTCATAGAGA
AGATGGTCTTGAACAAGCATTGGATAATTTAAATCCAGATGTTCTTTTGGTCTGGACTCTCTCGACCGTT
GGAGACGTATCATTTGCGTCTGGTTTAAAGCCTTGGCAAAAGCTTAAGCCTTCTATAGAAATCTTATGCAATAA
TCAGGTCTTGTCTCTGATATGAGTTTAGCCACAGTTAGGAATTACATCTGGATGAAGCCAGAGGATTTAGTTC
TCAATTACAGAGTGGTTCAGGCAGGTGAACACATGCAATAGGTGATTCTTTTGCTGAGGAACTGGGTGTTG
CTTCATTTTGGGGTGTGATATGAATGAAAGCGTTTAAATCCAGGCATTGCAAATCTGAACATCATCAACCCAT
TTCTCAATTCCGCATTGTTTCTGAACTAACCGAGAATTTTCTGGTCATCATTTTGAAGGTGAACTGCGGGC
GTTATAGATTTTTCGATCTTCATCTTTGCTGCAAGGTGTAAGTTTTTACAAAATACTACAGTAGGGAAGAAG
AGCCTTGGGTTATGGCATGGAGGTATTTTTCTTGATTATGGAGGAGAAACC

>trans_s_596 XM_002882119|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata adenylate kinase family protein,
mRNA

TGGAACCTCTCGGCTTCATCATTCCCCCTCCCCCTTCTCTCCTTCTCTTTTTCTTACTTAAACCCTAAACCT
TCGACGCCGCCATGTCCTCCTCGGGCGTCTCAGCGCGCTGTTGCGCCACTCCGCAACCGTCGCCACTCTCAG
ATCGCTGGAAGAGCGTACGGATCTGCGGCAGCGCTGGAGGTGGATTACGATTACTATGAGGACGACGATGA
TTTCGAGAGACTGACTGGGGATCAGAGCCATGGCAGGGCGATGGCTGACTCTCGAGGGTGGGTGCCGAAAA
GAGGAGTGCAGTGGGTGGTTTTGGGAGACCCTAGGGCGAAGAAGCATGTCTATGCAGAAAGGCTCTCGAAG
CTTCTTGATGTTCTCATATTTCCATGGGAGCCCTTGTTCTGTCAGGAGCTTCATCCTCGGTCTTCCATCTACCAG
CAGATTGCTAGTGCAATCAATGAAGGAAAGCCTGTTTTGGAAGAAATCATTTTCAGACTGTTGTCAAAGAGGC
TAGAAGAAGGGTATTGCAATGGTGAATCAGGCTTCATTCTGAAGGAATCCAAGAACAAGGAATCAAGCCG
AGATTCTTGACCAAATTGCAGATATCGATTGGTCACTTAACCTTTAAACAACCTGAAGAGCCTTTGATTAGAAAG
AATCTAGGTTCTGGAACTTCTCTGGCTTTCATGAATATAGTACTGTATGCAGCTCTGGAAGCAGTCAAAATTT
TAAGCCAAAGGACAAAGAGCCGAAATGCCTTTCTGCTACTACAGAATATTCTTGGAAAGAAATGACATCTATG
GAGCAGAGGAAGCCATTAGTGGAGTACTACAGAGGACAAAGGAACTTGTTGACTTCCAAGTAAGAGGAGC
TCCTGGAGAAACATGGGAAGGTTATTAGAAGCATTACATCTTCAGCATATTAATGCTCTTAGTCTTCTTCTTC
TACACAGAAGCTAACCACATGATTAGCTTTCAAGTTTTGGTTGTTCTGTTTTTGGTGTTTTTCTTTTAAACCA
TGCCGGCGTAGTAGTAAATATAAAATGTGAGAGTGTATTGACATAACAACATAATGCTGGAGTTTTATCTCCA
CCATATATATTGAGTTTTGAAGTTTTGGTTCCACAAATTTTGTGCTGGATGCTTTGAATGAATGTAAGCAAA
CCAGTTTGTGAGTTTTGTAATGTAGAAGTCAGAAATAAGAGAGATCCTCTCTTACTCTTTTATACTATAAAGT
GTACCTTCCACTTATGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_597 NM_119262|Arabidopsis thaliana SKB1 (SHK1 BINDING PROTEIN 1); protein
methyltransferase (SKB1) mRNA, complete cds

AAGAACGAATTGAGCTGGGATACAGAGACTTCTTACAGGCCCTCTCCAACCTCTTATGGATAACCTAGAGTC
TCAAACGTATGAACTTTTGAGAAAGATAGAGTCAAGTACATTCAGTACCAACGTGCAATAGTTAAAGCTTTA

AAAGACAGGGTGGCAGATGAGAATGCATCTTCAATAACGACAGTATTGATGGTTGTAGGTGCAGGACGTGG
ACCTCTTGTTAGGGCTGCATTGCAGGCTGGAGAAGAAACGGGTCGCAAAGTAAAGTATATGCAGTGGAGAA
AAATCCCAATGCAGTTGTCACTCTTCATAGTTTGGTGAAAATGGAAGGTTGGGAAAGGATTGTTACCATAATT
TCTTGCGACATGCGTTACTGGGATGCTTCAGAGAAGGCTGACATTTTGGTCAGTGAGTTGCTGGGTTCTTTTG
GTGACAACGAACTATCTCCCGAGTGTCTTGATGGGGCCCAAAGATTTTTAAACAGGATGGCATTTCGATACC
TTCTTCGTACACGAGTTTCATCCAGCCAATTACAGCCTCCAAGCTATACAATGATGTTAAGGCACATAAAGATG
TGTCCCACTTTGAAACTGCGTATGTTGTCAAACCTGCACAATGTGGCAAGACTCTCGCCTCCTCAGCCCGTTTTT
ACCTTCACTCACCCCAATTGGACACCTGATGGAAGCAATCAGCGATATAAGAAGCTTGCTTTTGAGATACCTAA
CGATACCGGTGCTGCCTTAGTTCATGGCTTGCTGGTTATCTTGATGCGACGTTGTACGGTGACGTACATCTAG
GCATCGAACCAACAACCGCAACACCAAATATGTTCAAGTTGGTTTGCTATATTTTCCCGCTGAGAACGCCAATA
TGTGTCCGACCTGGTTCTCCGGTAGAAGTACATTTTGGCGTTGTTGTAGTCCTCATAAGGTTTGGTACGAGTG
GAGTGTAACATCTCCATCCCAATCTCCGCTACATAACTGTAACGCTCGTTCGATTGATGTCGGCCTATAAAGA
AACAGGGGAAAAGGCGCCTCAAGGAAGAATTCAATGGTACGCGGCCTAGTGCTTGGTAATTTCTTCTCTCGA
ATTATACAATTCTATATGAAGTGAACGCTTTGCTTTGCTTGGACACAACCTCTAAATTGTAGGAATGTCATACAT
AGTTTTTTGCAGAAATTAGTCTCGTATCCCGAGTCTGTTGCAACTCCCTGCCCTTATAGGTCAAATTAGTTTATG
TTCTACATTCTTTTATGCCGCCACCTACCTTCTACTTGGCTTTTCCACATC

>trans_s_598 AY054153|Arabidopsis thaliana At2g17240/T23A1.10 mRNA, complete cds

AGTGACGCCGTGGTGCGGAGAGAAAATAAGAGGCGGTCCGGTGTCCATCTACTCTTGTTGGCGGCTATTTTCAT
TTTGGTGGAATCGGCCACCAGCAGATTAGTAAGACTCGAGCCGTCACCTCAAGGTCGAGGAAGTTCATGGC
GTCGATATCCCTTTTCACTCTAAACCCCTAGTCTCACCATCGGCAACCTACCTACGGATATCTTCTTCTCATCT
ACAAGTCATAGTTGCTGTCTTGGTGGCTGCAGATGCTCCTTCCAATCAAGCCGCTTTCTACTTCTAATTTTATT
TTTGGTAGAAGGAGAACGGGGAGGCAGGTGGTCCGAATGGCCCCGGAGGAAGAGAAGCTCACTCGTCGCAA
TCCTCTTGATTTCCCTATTGTATCTTTCTCACTCTTTTCTCCTTTATTTTCTGCAGCATTTTATGTTTTTTTTTCGT
CTTGCAATGGAATCTTTTTTGTGAGATTTTGGTGCTTTTGCTTCCCGTTTTTAATTACTTTTGCTACTCTACCCCT
AGATTAATTAGGGGTGGATAATTGAAGCATTTCTTGGAATTGTTATAATTATTGTCAATTTTTTATCTATGAAG
GTTTTAGAAGGCTTATTCGTGACTTATCCTACCACGTTTTTCTGGAAATTGTATCTGCCTGCTTGTTTCGGCTA
TGTCTGCATTTTTGTTGTTAACTTAGATTGGTAGAAGTTATTGGCAGGCCTCAAGGCATTTTATTGAAGATCC
CACGTTGAGAAAAACAAGGACCTCAAATCTTATTTAGTAGATGGGTTACTCAACTGTATGTTATCTAATATGA
TATAAGTGTCATGAAGTTCAAACGGGCATTTGGTCCAAAATAAAAAGTTGGGATCTGACCAAGAATGGCGA
ACTTAAGGAGAACTATCTTGAGGGACATGTTGAGGATCTCATGCAGAAAAATCTGAGGGACTTCACAACCTT
AATAAGATAAATTACTTCTCTCATCTCACTGCATGTTATCTTATACGTTTGTGTGGCAGTTCATAGGGCTGGTGC
AGTTTCTTTGAGGCATTTGATACAACTTTGTGAGTTTGCAAGGTGGTCGGGAGTCAATTGAGAAGTTGCTAT
GCCATCCTCCTTTTCAATAGAAAGAACCATTTGTTGTGACAAGTTGCAGATGTGCTATTAGTGGCGTCTATGG
TCCAGACAAATAATAGAACTTTAGGGAGAGGAGAGTTCTCACAGGGGTGTTCCGGGACCTTGGTGTCCATAT
CTTTTTGTAAATACCCATTGAGTTACACTTTTTCTTGATT

>trans_s_599 XM_002892407|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T27G7.2, mRNA

AAACCAAACCAAACCAAACCTCCGCCATTATCGTCTTCTTTCTTCTTCTTCTTCAATTCAATCCAATCCAA
TCCAATCCAATCCAATTCGCAGTTCGTTTTTCCCTTCAAATTCCTCTCGGATTCTTCATTTCCATTGCATTTCACT
TTCTTCAAATGGAGGTTAAGCGCCGTACAGTTTCCACTTTAGTCTCTCGCCTCAGCTCCGTCTCCGAGCAAACC
CGATGCGAATCTTTGTCCGAGCTCCGATTGATGACCAAAAACGACGTCGAAAGCCGTTCTCTCATCGTCGAAG
CCGGTGCCCTTCTTACTTGTCTGAACTCTGTATTCTTCTCTCACGTTGCCCAAGAAGACGCCGCCGCTACGC
TTCTCAACCTCTCTATCTCTCCCGTCAAGCTTAAATGTCGACTCATGGCCTTCTCGACGCGATTTCTCATGTACT

TAGCCATCACAATTCTTCTTCTCCGCATCCGCTGTTCAATCCTGTGGTGCGACTCTTCATAGTCTTCTCGTTGTG
GATGAGTACCGCCCGATTATTGGTTCCAAGCGTGATATAATCTATTCTTGTGATATTCTTAAGTATAGGAA
ATCTCTCAGAGATCGATTAAGGATGCTTTGAAAGCGTTGTTTGAATTGCGCTTCACCAGTCGAATCGATCTA
CCATGGTGGATCTTGGAGTGATTCCGCCGCTATTCTCTTTGGTTGTGGTTCGGCGGTACGCTGGGATTGTCGA
AGATGCGTCGGCGGTGGTTGCGCAGGTGGCGGGATGTGAAGAGAGCGAATTGGCATTTCGTAGGGTTTCTG
GATTGGGGGTTTTGGTGGATTTGTTGGATTGAGGACTGGTTCGAGTTTGAGAACGAAGGAGAACGCGGTAT
CGGCGTTGTTGAATTTAGCTAAATGGGGCGGCGATAGGGCGGCGGAAGATGTGAAGGATTTGGGATCTGGA
ATCTTGAGCGAGATTGCGGATGTGGCTGTGAACGGCAGCGAGAAGGGGAAAACCAAGGCGGTTGAATTGTT
GAAGATGGTTGCAAGTGGCGGCATTGATGGTAATGTATTTGAGGATTTGCAATTGAATCGTTTGATAAATCCA
TGCTCTGAATAGCTTCTTGTTCATCTTGCTCTCACTTTGATTGATAGATTGACTGTTTACTGTTTCCCCACCATA
TTTGATAAGATCAGATTGATTCTTTTCCCCTAGATTGAACAAATTCTATGTACAAATTAAGATAGAATATGA
AAATTCTACACATTCATCAGGTCCATTCCACAAGTTTTCTGTG

>trans_s_600 AY780430|Populus alba x Populus tremula RING-H2 subgroup RHE protein (RHE1)
mRNA, complete cds

AGTCAACTCTGGCGTCTCCTTGTCCTATAGAGATAGAGAGAGCAAAGAAACCCCGAAGAACTTTCTCTTTCTT
CTTCGCTAAAAACCCATCTTCTCTACTAACAATTCCTCCAAAAATTCTCTATCTCCAAACAATGGAAGCCGCCAT
GGAAGATACCAGCTCCCCTTCTCCTTCGGGAATCAAAGATTTGCCCCCTAGCGGCAAGATTATGCTCAGCGCC
ATCATCATCTCTCTTCGTCGTCTTCTCATCATTTGCCTTACCTTTACGCCCGCTGGTACGTTCTCCGTGCTC
GCCGCCGTGGAACCTCCGCCGTGCAACCGTCTCGTCTTTTATTTGAACCCGAAAACCTCTCTGCCCCACAT
GGCACCGCTGTCTCCCAACGTCGAGGCCTCGATTCTCTGTTATCAACTCTCTCCCTGTTTTCACTTCTCTTCTA
AATCCCACTCCGATCCCATAGATTGCGCTGTCTGTCTATCTGAATTTGAGGAGAATGAGAAGGGTCGTACACTT
CCGAAATGTTCTCATAGTTTTCATATTGACTGCATCGATATGTGGTTTTCACTCACACGCTACTTGCCCACTCTGT
CGTTCACCGGTCGAGATGGCTACGGAGGCACAGCGGAGGTTGAGATTTCCATGGAGGAACCAGCGATAGCT
GAATCCGGTTCGAGTTCTTCTGGTTTTTTCGCTGAGTGCGATCGACCCGACCGGATGCCTCCTTCTTCCACAGG
TTCTCGGTCGTTTAGGGCGCGGCGAAAGCCGTCGGAAATGGGTGGAGTTTCGATTGAGATTCCAACGAGGAG
GGAGGGGGAGTTTTCGCTCTTCATTGTGCGCGACAACCTCCATCGTTAAGTCGCCGATAAGTCGGGTGATGTCT
TTGTCTGTTCAAGATGATCATTGGTCGGGAGAGAAGAGGCGGCACGTCACCGACCGGAAATGGAGTGGGATG
CAGCTCCGGCAGCGGCGTGGAACCTGGATATTGAGAAGGGAAAGGAGAGCGTTCAATGAAGTAGAAGTTGAA
CTCGGAAAATTGATGGCTACTTGGAAGACAAGTCGGCTCAGTAGACAGGACGGTCAAGTCCAACCTCTGAAC
GACAACGCCATGGTGAAGGCTTAGTCAGATTAAGCACACGTGGCAGTTGTGTTTTTCGTTTTCTTTAGTTTGT
ATTCTTTTATGGAACGACGATTGTGACATTGTAGATATTGATGTCTTAATTATAAATTTTACCCACCCCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_601 DQ370175|Coffea canephora plastid fibrillin 2 (FIB2) mRNA, partial cds; nuclear
gene for plastid product

ATTCACTCGAACACCTCAGAACATTGAAGCTCACAATGATGGCTTCTCTACTGTCTTCTTGTCTTCTTCTTTTC
TTCTTCACGGAGTTCCCTCTTCTTCACTACAAACCCTAAATCCCACTCTTCTCTCTATCCCCACTATTTCCCATC
CATATTTATCTCTTCAATCTCTCTCACAAAGAATCTGGAGCTCTCAGATTCCCTTCCCTTCGCTGACCTCCTC
TCTCTCCGATGACCCATCTACCACCGACGAAGACGATACCACTTCTCTCCGAAGATCACCGACGAGTGGGGA
GAAGAAACCGAACCGGAACCTGAATCTACGTTGACGAGATTATCGGACTTCGATCCGCCGAAGGAAGATGAC
GAGTGGGGTGGCGATGAAGGAAATGGTAAACCTTCTGTGGTTGAGGAAAAGAGTGAGGAGTATGCGGATG
ATCGTGATAAGCTTTTGGAGCTTAAGAGATGTTTGGTTGATACGGTTTACGGGACTGAGTTTGGATTTAGGGC
TGGGTTGGAGGAAAGAGCTGAGATTTTGGAGATTGTGAACCAATTGGAGGCGGCGAATCCAACCTCCGGCGC

CGGTAGAGGCCTCTGGACTTCTAGATGGTAACTGGATTCTACTGTATACTGCATTCTCAGAGCTGCTGCCACTT
CTAGCATTAGGAGCATTGCCGTTGGTGAAAGTGGAGAAGATTACTCAAGAAATTGACTCAAAGACGTTTACCA
TTGTGAACTCCACCACTTTGTCCAGCCCATTACTACATTTTCTTTCAGTGCATCTGCTGCTTTTGAAGTTCGAA
GTCCTTCAAGGATACAGGTTCAATTCAAAGAAGGTATTCTGCAACCTCCTGAGATAAAGTCAAGGCTAGATCT
TCCAGAAAAATATTGATATATTTGGACAAAAAGTTAATTTATCCCCCGTGCAAAAAACTCTTAATCCGGTACAGC
AAACAGTAGCAAGTCTATTCCAGGTCATTTCCGGTCAGCCTCCACTCAAGATACCAATTCCAGGTGATCGTAAC
AGGTCCTGGCTACTTATTACATACCTCGATGAAGATCTTGAATATCGAGGGGTGATGGTGGTCTTTTTGTTCT
TGTTAAAGAAGGGAGCGCTCTACTAGATCAGTGAAAATCAGGTACTTTCTGTCGTCGAATCTGGCATGTAATT
GCTTATATTTTTTAAATATCAAGTCATGAAATGCCACTTTCTACTTTCTAGATGAGTATGATACAGAAAAATATAT
TGATCATGCATCTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_602 NM_180825|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT5G48655) mRNA, complete cds

AAAACACCTCCTCGCTCTACATATATGGAATGGAAGGAAGCCACATTGCTTTTATATCTCGATTGCCGCCCC
CCTTCTCTTCTCTCCATTTTCTTCTCATTTCTTCTTCTCCCTCCTCTTTTCTCTCTGCAAGTCTCTCCGTTT
CATCTTTCGATCGCTTGTCTCAACCCCAAGTTCGCCGTTTCGTTCTTCGCCAGGCTTGAAAGACAGAAAGAGCT
GTCGGGATGAGCATTCAAAGTTCAAATGATCTACATGATTGGAGTGCAAGAGTTATTGAGAGAAGAACAGTG
TTGGACTTCGATTTGAATTGTCCACCCCCGGATGAGTGCATTGATCCAAGTGGCCCCCGTGATGAAGCAGCGC
AATACTACAATCATTACCAAGGACAAGCCACAGACGCTATCGACGAGGACATAGCTATAATTTCTCCTAGGAA
GTTTGCTGAAGTATGTAACATTTTGGTAATATTATGATTGTATTCTTATTAGGCCACACTAGGGATTTAAGATG
GTGTCAATTTTTTTAGGCCAGGAAGAATTTTGAAGAAATCACTTTGAGAGTGGCTATGGTGCAGTCATCAGA
CGTAATGGCAACACAGAAGTATATGGTGCTCTCTCAGATGTAACAACTTGGCCCCCTTTACAATTTGGTCGCC
TCTTACAATTAGCAATAATGTATCCTTACAGGAACAACAACAATTCACAACCTTGACCTTCGCCTAAGCTGTG
AAAGCAGTAGTAGGGCCACTAAGGCCAAAACTGACACCGACATTCTTCTACACTTGCCTAAGTAGTAGCAT
CCCACCTACAGATAGGACTTTGCGGTGTGCGATCTGCATAGAACCATTGGTTGAAGAAACGACAACAAAATGT
GGGCACGTTTTCTGCAGGAATTGCATCGAAACGGCCATAGCTACTCAACATAGATGTCCCATATGTCGGCGTA
AGCTTAGAAAACGAGATATTATCCGGATTTACCTTCTTTTACAAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAGATGAATACA
ACACAAGAATATTGCATCTGTATTCTTTTCTGATGATGACGACGTCGACTAGGTTTGTACTTTGCACACAGTT
GCATTAACAAAATATAGATTTCTTGATTTCTTCTTTTTTCTTGTTGTTTCATCATCTGTATTGAATGAACTATAA
ACAAAACTAAAATCTTTGATATGAGGTGTTTGATTTGACTGAAAAGACAGACGGTTGATTCATCAAAA
ATAGTTTATTGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_603 NM_179312|Arabidopsis thaliana ATGLX1 (GLYOXALASE I HOMOLOG);
lactoylglutathione lyase/ metal ion binding (ATGLX1) mRNA, complete cds

ATTACGGCCGGGAAAGTTATCATTATCGTTCATAGCAGCTTTGAAGTTCGAAGATATGGCAAATAACTTGGG
ACCTTTTTCTATCATTTTCATCTCTTCTCTCTCTTTGATCATCGGAACTAGTTTAGCGGCTCGTAATCTAAAC
GACAATGTGTTAGAATGGGTAAAGAAGGACCATCGCCGTTTTCTTCGTGCAGTTATTCACGTATCAGATCTTG
ACCGTTCTATTGCGTTTTACTATAAGGCTTTGGAATGAAAGTTTTAAAAAGAAGGAACTTTCCAGAACGTCAA
TATAGAGATGCCCTCGTTGGATTTGGACCCCAAAACACTCACTTTTGTGTTAGAAATTAAGACAAAGACATGATTC
CAATAATGTATTTATTGGAACAGAGTTTGGACACTTTGGGATTGCCACTCAAGATGTTTATAAATCCGTGGAG
AAAGCTAGAGCTAATGGTGCATTGGTGATCCAAAAACCCCAAAAGTTAACCAAAACCATGTTTGCTTTGTGC
AAGATCATGATGGCTATAAGTTTAACTTATTCAAAGAATATCTTTGCTGATCCTCTTGTTCAGTTATGCTTC
ATGTAGAAGATTGAATCGATCTCTCACTTCTATACGAAGGCATTGGGCATGAAGTTGTTGAAAAGCAAAA
CAATTCAACAGGACAGATTGTTTTAGGGACTTTGGGTTATGGAATAAACCAAGTAAAACAACAACAGTGTTG

CAATTGGAAAAGAGGAAAAATATCCCTCGTGATGATGGACGAGATGGTTATTCAATGGTGTATATTGGTACTG
ACAATGTAAACAAGAGTGCTGAAGCAGCTAAGCTGGTAATGAAAGAGCTTGGTGGTAACCTAATCATCGAGC
CTGTTCTACTGTCTGATATCAACGTCAAATACTGGCTTTTCTGACCCAGATAATTGGATAACGATTATGGTT
GACAATAAAGATTATCAAAGAGGAAGGCTATGAAGAAAAACAAGAATGTAGAATGACATTTAAATGCTAAA
CGTGTGAAGAGGACTATGTACATTTCTGAAGATTGAGAGTTTATTATCCCTTACTTCAAATTGTCTTTATTAT
TATAATTAATATAGTGTTGTGTTATTATATTATTACCTATTTTGTATTTCACTACATATAGATTTTTTTTTTTTT
ATCAATTATATTGGTTAATGATTGTGGAATAATAATATGTCCTTTTGAGTGAATAATATGCATTAATCAAAGTT
GATGATGAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_604 NM_105141|Arabidopsis thaliana ATMGL (ARABIDOPSIS THALIANA METHIONINE
GAMMA-LYASE); catalytic/ methionine gamma-lyase (ATMGL) mRNA, complete cds

AAGAAAAAAGTTCCAAATTTATTGTTCTTCTCATTCCATGGCTGAATTGAAGAATCATAATTTCCGGGGCA
CAAAGAGAGCATCCCCGACGAATCGGACGACGTAAAACCGATTCAAAGAAACCAACGGCCATGATTTCT
CTCTCTCGAAGATCCAGCGGCTGCGATTGCCAATACGCGTCATGAGTTCGGCGAACACGGAGGGGTAAACA
TGTC AATTGAAGCCTCCGCCACATTCACCGTCATGGAACCTGAAACCATGCGTCGGATGTTCCGCCGGTGAGTT
GCGTCCCGACCGTGATTTCTTCATCTACAGTCGTCATTTCAACCCAACCGTTTTGAATCTCAGCCGTCAGATGG
CTGCCCTTGAAGGTACCGCCGCTGCCTACTGCACCTCTAGCGGAATGTCAGCCATCGCCGCCGTGCTCCTCCAA
TTGTTAGCTAGTGGGGACCACGTGGTGCGAGTAGGACATTGTACGGCGGGACCCATGCGTTGATGGCTCAC
TTTTTCCGAGGACTTCGAATATAACGACGACGTTTGTAGACATAGGGGATTTGAAGGAAGTGGAGAAGGCA
ATAGTTGAAGGGAAAACCAAAGTGCTTTATTTTGAATCGGTTTGAATCCGACGTTGGCGGTGGCAAATATAC
CGGAATTATGCCGATTGGACATGAAAAAGGTGTCACGGTGGTCGTCGATAATACTTTTGCCCCGATGATTCT
GTCGCCGCGGAGGCTAGGTGCTGACGTCGTCGTTCATAGTATTTCAAAGTTCATTAGCGGTGGAGCTGACATC
ATTGCAGGTGCAGTGTGCGGTCTACAAAGCTAGTGAATCAATGATGGATCTACGACAAGGGAGCTTGATG
CTTCTGGGGCCAACTATGAATGCGAAGGTGGCATTGAGCTGTCCGAGAGAATCCCTCACTTGAGCTTGAGAA
TGAAGGAGCATTGCAGAAGAGCGTCGGTGTTTGCGGAGAGGATGAAGAAGGCAGGGTTAAAGGTCATATAC
CCTGGGCTAGAAGACCACCCACAACCAACTGATGAAGAGCTTGGCTAACCCAGAATACGGGTTTGGGGGT
ATGTTGTGTGTGGACATGGGGACGGAGGAAAGGGCAAACAAGCTCATGAGTATACTTCAAAACACTACTCAA
TTTGGGTTTCATGGCAGTGAGTTTAGGGTACTATGAACTCTAATGTCATGCTCAGGAAGTAGCACGAGTAGTG
AAATGAGTGGAGAGGAAAGGGAATTGGCTGGAATCTACCAGGGCTTGTAAGAATGTCTAT

>trans_s_605 AB263748|Ipomoea trifida DNA, self-incompatibility (S-) locus region, haplotype:S1

AGTTATGGATCGCTGATCGAGCGGTGCTTCCGGTTGAAAACCTCGCTTGGCGGTTGATTATAGAAATTATGA
TCTCCTGCTTCGTCATCGGCTGCACATTGTTGGTGAGGTTCAATTTCCGGTTCACCACTGCCTTCTGGCTCTTCC
TGGAGTCCGTAAAGAGTATTTGAGCCGGGTATTTCTCATCCCAAGCCCTAGCTCAATGCGAGCTTACTTTGA
CGAAATTAGGGCTCAATGTGACTCGAGAGGCTGTCGACGATACCGCCGGCGCGGCAGAAATACATCGCAGCGA
ACAATCTCCTCAATACGGCGGCGATTGCGAGTGACGCGCAGCGGAAGTGTACGGTCTCCAGGTCATAGCGG
ATGGAATCCAGGACGATTTCAGTAACGTGACGCGATTTGTTATGCTAGCTCGAGATCCGATTATACCCGAAC
AGATCGGCCGTTCAAACACAGCATCGTCTTCGCTCACGATAAAGGAACATCCGCGCTATTCAAGGTACTTTCC
GCTTTTGCTTCCGCAACATTAGTTTGACGAAGATCGAGTCCCGGCCTCACAGAAATTGCCCTATCCGTCTCGT
TGACGACGCTAACGTCCGCACTGCCAAGCATTTGAGTACATGTTCTACGTTGATTTGAAGCTTCCATGGCTG
AAACTAGGGCACAAAACGCCCTAGCAGAAGTACAGGAGTTCACATCCTTCCTTAGAGTCTTGGGAAGTTATCC
AATGGACATGACTCCGTGGTCCCCCTCCGGCGGCCATTAGCAGAACAAATCACATATCGCCGATCAAAATTC
ACATAAAAGGACGGCCGGAGAGGAAGAAGAATATCCAGATTATTGCCAAAATCCGCCTTCTATTTTGTTTTC
CGTTTTTTTCGTTTCGATCTGAGCCGCCGTTTGATTGGTCCAAAAGTCTTGGCGGCAGCGTCGTTGGCGGCGGT

GGTGGTTGGTAAACGCGAACAGCGGCGGTGGACGGGACTAAGAAAATTGTAAAATAAGATATATATTTAAA
ATACGTATATGTATGTATGTCATGTGGATGGATTTAGATATGCGGTTGTGCTTAAACGACGTTGATCGTGGC
GTTTTGTTCTGACCGTTTGGAGGTGCTCTTTGTTGCGGATCATGTTCTTACGTGGCGTGTTGTGACTGGGTTCC
GGATAATATCATTCTGACAAATTTTTTCTCTCTGTAGATTATCTTTTTCTTAGTGTTTTTTTTTTTTAGACGA
ATAAAAATTAGCGTTGAGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_606 XM_002311982|Populus trichocarpa chorismate synthase (CS1), mRNA

ACAAATCTCAACCTTTCTCTTCTGCTTCTTCTTCTTCCATGGCTTCCTCTCTTTCGTCTAAACCGTTTCTGGG
TTCTTCCAGAACCGAAGGCTTCTCTGGATTGACCTCTCTCTACAGATCTTCCAAGCTTCTTTTCCGCCGT
AAAATCTCAGTTGGGTCCCGAAACGCGAAGAAGCTGCAGATAAAAGCTGCTGGTAGTACATTTGGAAATTAC
TTTCGTGTTACAACCTATGGAGAATCTCATGGAGGTGGAGTTGGCTGTGTGATTGATGGATGTCCTCCACGTC
GCCCAATTTGGAAGCTGATTTGCAAGTGGAGCTTGACAGAAGGAGACCAGGTCAGAGTAGAATTACCACTC
CAAGGAAAGAGACCGATACATGTCCGATACTTTCAGGAGTCACTAATGGAGTTACTACTGGAACACCAATTCA
CGTATTTGTACCAAATACCGATCAGAGAGGACATGATTATAGTGAAATGTCAATAGCCTATAGGCCTTCTCAT
GCCGATGCCACATATGACATGAAATATGGAATTCGAGCTGTTGAGGGTGGTGGCAGATCTTCAGCCAGGGAA
ACCATTTGGGAGGGTGTCTGCTGGAGCTGTTGCTAAGAAAATTTGAAGGAACTAGCAGGAACTGAGGTACTT
GCTTATGTATCTCAAGTCTACAAGTTGTACTGCCCAGGGTGTGGTTGATCATGAAACTTTGTCAATGGAGC
AGATTGAGAGCAACATAGTCAGGTGCCAGATCCTGAATATGCTGAGAAAATGATTGCTGCCATCGACGCTGT
TCGTGTGAGGGGGGAATCAATTGGTGGTGTGGTCACATGCATTGTGAAGAACTGTCCACCTGGGCTTGGTTC
ACCAGTTTTTGACAACTTGAAGCTGAGTTTGCTAAAGCTGTTTTGTCAATACCAGCATCGAAGGGCTTTGAAA
TTGGCAGTGGATTTCGAGGTACATTTTAACTGGCAGTGAACATAACGATCCATTCTATTTAGATGAGAATGG
AAGAATTAGAACAGTTACAAACCGCTCTGGTGAATACAGGGAGGTATATCTAATGGAGAAATCATAAGCAT
GAGGGTAGCTTTTAAAGCCAACAGCTACCATTTGGGAAAAAGCAGAATACAGTTACCAGAGATAAGAAAGAGGT
TGAAGTATTGCTCGTGGTCGTCACGACCCTGTGTCTGCCAAAGAGCTGTGCCTATGGTTGAAGCTATGGT
AGCTCTAGTTCTTATGGACCAGTTGATGGCACAGCATGGACAATTGCATCTGT

>trans_s_607 XM_002306968|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb7
(Lhcb7), mRNA

AAAAGTGGTTTTTGATGCCTTTGGCTTAATCATCATTCCGTCACCAGAGATAGTAATGGCGCTAATTCAGCCAC
ACACTCCAGCTTCTTCAATTTTCATCTTCATCCGCCTCATTCTACGGAACGTATCTTCAACAGCTCCGTCGCTCAC
CACAACCCCTTAATCTTGAAGCAACCACTCTATCTCTCATCGTTCCACTTGCAGAGCTTCTTGGCAGGAGCTTGC
AGGTGTTCTGATCTTCTCTGAGTTCTTTACGGCGGTTAAAGCCATTGCCAATAGCCCGCTTGGAGAGTCGC
TCCAGAGACAATTGGAAGAAGAAAAAATCTGCCGTAGCCAACCTTCCAAGTTCAAGGCTCTTGCTGAGGA
GGCTAGAAAAGATAGCTCGTGGTATGGAGAAGAGCGTCCTCGGTGGCTTGGTCCACTATCATATGATTATCCA
AAGTATCTGACAGGTGAACTGCCTGGTGATTATGGATTTGATATTGCAGGTTTGAGTGAGGATCCTGTGGCTT
TCCAGAAATACTTCAACTTTGAAATATTGCATGCTCGTTGGGCTATGTTAGCATCCCTAGGTGCTTTAGTTCCA
GAGATCTTGGATATTTTTGGAGCGTTTCATTTCACTGAACCCATCTGGTGGCGAGTGGGCTATTCAAACTTAA
AGGAGATACACTTGACTATCTTGAATACCAGGGCTTCATTTAGCTGGAAGCCAAGGAGTGATCGTCATTGCA
ATTTGCCAAGCTATTTTGATGGTTGGACCCGAATATGCAAGATATTGTGGCATAGAGGCATTGGAGCCTCTGG
GAATATATCTGCCGGGGGATATAAATTATCCAGGTGGTGTGTTGTTGATCCCTGAATCTGTCCAAGGATGC
TGCAGCCTTTGAGGAACTAAAAGTAAAAGAGATTAATAATGGGCGTTTAGCCATGGTTGCCTGGCTAGGATTT
TACAGTCAAGCTGCTTTGACGGGTAAGGGACCAGTCCAAAACCTTCTTGACCACATTGCAGATCCTTTCCACAA
TAACTTTCTTCCCTGCTCAATTCTTCATAAAGTGGTTAATAATTGGAATTTGGAGTATAAAGTATAGTGTCTC
AAATCTGTATAGTGTTCATAAGGGATGGACAACCTGTCATAGCTGTTCTAGACGGGAGCTAGTTGCTCAGTAA

GTTAATACTTGTTGGTGTGGTATTATATCTTTCTATCTTATACCAGGTATCTTTGAGAACCTTATGCTTTGATAA
AATTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_608 XM_002884871|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2742, mRNA

TTGGAAAGTATATGGGCCTTTCAGATTCTACCTTTCTGTGTTGAAGGCTCTTAAGCATGCCTCTCTCAGATGTC
TAAAGAAACTCGTTGTGGACTGGGTTCCAGCTGGAGATCTTGAAGATGCTACAGCTCAAGAGAATCCAGCTG
CTCACAAGGCTGCATGGAAGCTGTTGAAGGGTGCAGATGGTATTCTAGTTCCTGGGGGTTTTGGCGATAGAG
GAGTGGAAGGGAAAATCCTTGCATCGAAGTATGCTCGAGAAAACAAAGTTCCATTCTCGGCATTTGCTTAGG
AATGCAAAATTGCTGTCAATTGAGTTTGCACGATCTGTTCTTAACCTGAAAGATGCTAACAGCACTGAATTTGATA
CAAGCACGAAGAATCCATGTGTTATATTTATGCCTGAGGTTTCTAAAACACATATGGGTGGAACCATGCGCCT
TGATTCTAGGAGAACATATTTTCAGGTTATGGATTGCAAGTCTGCAAACTGTATGGGAATAAAAGTTACATT
GATGAGAGACATAGACACAGATACGAGGTTAATCCTCATATGGTATCGCAGCTTGAAAATGCTGGACTCTCAT
TCACTGGAAAGGACGAAACGGGTCAGCGAATGGAGATCGTTGAGTTGGCTTGTCTATCCATACTTCATTGGTGT
TCAATTCCATCCTGAATTTAAATCAAGACCAGGAAAACCTTCTGCATTATTCTTGGGACTCATAGCTGCATCGT
GTGGCCAATTAGATTCTATCTTAAAAAGCTCCGAGAGTTGGAAGAAAACAGCGAAGAACGGGAGCGTTGAAG
TCTCAACAATGAAATTATCCAGAAATGGTAACATGAAAATGACTGTGAATGGGCTATCTAATGATGCTTATTTT
AATGGCAATGGATTGCACTACTGAAGGTGGACTTTTTTGTCTAGTCGTCCTGAGTGATTGCTGATCTTATGTG
GTGATTATACCAGGATTGCCTGTACAGTCATCTGAGTTCGGATAGGTATAGGTTAAAGGTCTTTTATCAGGAA
AGAGTTGTATCCCAATCTTTTATAAGGGGTCAACTGCTCCCAATATATAAATATCCAGTACGGCGCTGTGTGC
AGCTTGCTTTTTCTTTGATTCCAGCTGTTACTATATTAGTGGACGACTGGAAGTAGAGGCTAGTTTTGCTTTA
GGGGTTGTGTCGCCAGCTTTCTTTGTACCATCAGAATTTAGCGGTAATATAACCATGTGTTTCATGTGTGGTTT
AAAACATCTAATTTGTGTTGTGNAAATTGTATGGATTCATGTCACTG

>trans_s_609 Novel Gene

AAGGAAGAAAATAAGGCCTTGGGGAGTTCATTGTGAATCCATTATTAGGTTAATTTGCACTTTGATATTATCAA
TTTTTGTCTTGATCTAACAACGTTAATAATTGATTATATTTAATTAACCTTTTGCATGCAGGACCTATAATTAGA
AATGCACAGTATATTTTCTGAAGTATTTTAAATATACCTTTTTTGTCTTATTTATGTGATTTTGAAATCAGTG
ATCTTTTATTATCACATTATTTTAAAGATCTATTTGTGAAATCTAATATCTATAATTTTCTTTTAATTCATTAT
GTTAAAATTGTTTCTGTGGTTATGGATCTAAATAATAATATTTTGTAGATGTACATTTTGCATCTAAATTTAAA
GAAATGTTGTTAACGTGGGTTTGACGAACACCTGTGTGGAGACTGCAATAACAAGAAAAATTACTCTGATTAA
TCAGCAAGTTTAGCCTTGTGATTTAAAAATGTTTATTAATAGAATTGTGTTTGCTTCAATTCGTTTTCTTTGACCT
ACATTTGGGACAAAAAGTTGGTTACTAAGTAAATTATTATGGGTTCTTTGGCTTAAGGGTTATCACTATTGGGT
TGGGTTATGTTAACATAATCTTTGTTGCGGGAAGGGTTATCATAATCTTTGTTTTAGGGTTATCATAACTCATCT
TTCCTCTCTCTTCTTTTGAATTTTTTCAATTTCTCGTAAATTTATCTTTCAACTTCTCTATAAACTATATTT
TTAAACTCTTTTTTCAAACATATTTTATCACAAAACACTACATTTTTAACTACTCTTCGAAACACATGCATGTTTAT
CATAACATTAGTTTTATTATAATAAATATTAGTTTTACGATAACACTAATTTTATTATAACATTAACCATTTATCT
CTTCAACCTCTCTGTAAAACATCTTTATAAACTCTTTTTTCAGACATATTTTACCGCAAAATTACATTATTAAC
TATTCTTCAAACACATGTTTATCATAACATTAGTTTTATTATAATAAACATTAGTTTTATGATAACCCCTTAATGT
TAAATGGTAAAAAAGTTGTTAATACCTTGATTGTATTGTTTAAACACAATGCATGCTAAATGGTAAAACTCAT
AGAAATTATTTTAAATAAGAAAAAAAAGTTCATAGTCTATTGGTGATGTCCATCAACTTTTATTAGGAAGAAGT
TGGTGTATTTTTCTGACTTCTAATAGAGAAACCATTTCTTTGTAATGATTATGAATTGTATAATTGAGCAGAGT
TTTTCTCCATCCA

>trans_s_610 AY371292|Mesembryanthemum crystallinum early flowering 3 (ELF3) mRNA,
complete cds

TCACATTATTGATTTACCTCTCTCTATGACCGATCTATGACGCAAACAGGTCCAACGGTTAATTGCTGGATCA
CCTCATCTATTACTTGAAGATGGTGTCTTTCTGGACAGTTCTTCTCCAAGCCCTCTTCTGCAAAGAACTTAGG
TCAGACTACACTATCAAATCACATGTGCAACTTCAGCCCAGTGATGACCCTAAGAAGCCAAAACACAATGTGG
AATGTTTCAGCGGAAAATGCTGTTGGGAAGACTTCTCTTCTCTGAGCCAATTAATTGCCAGCCTTCAACTAAT
GGGCCTTATTCAGTACAAAATCCACAACCAACTTCTGTTTCTCTGATAATAAATTAAGCAGTTGGTACCAGAC
ATCAGCACATCACTGGCTGGTCCCTGTAATGTCTCCTTCTGAAGGACTCATCTATAAGCCTTACCCTGGGCCTG
GATTTATTTATGGAGGATGTGGACCTTATGGTCCAATGACCCCAATGATGAATCCATCCTATGGATTTCAGCT
TCTGTTTCATCAAGGAATTGGAGCTCTTCTAGCACTCCCATGGTTGGTGGTTCTTCTTCCCCCTTATGGCATG
CCAGTCATGAACCCGGGTATGTCAGGTTTTGCTGTCGATCAAGTTAACTGGTACGCAGGAGATCCAAATCAAT
TATCGGGAGGTGTGGCCGCTTCCAATATACAGCATCAAACCTTCATATGATGTTTCAACACAGAGAGATAGAGA
TGAAAATCAAACGTTTTCACGAACTGCCAAGTCTCAAGCACCCAAAAGGAGTGAAGTACAAGTAAGTACTGCA
AGCAGTCCTGTATGTAGTCTCTAGCAAAGTGCAAGGAAATAAGGCCAATCGAACTGCTGAAAGCCACAAC
GTGCTTCCACTTTTCCCTTTAGCTCCGCCTCTGTAGAGGAAGGTCCTCAACCTTCAGACTCTGACCAAACACGC
GTGATTCGAGTTGTCCACACAATAGAAGATCTGCAAACGAATCGGCTGCTCGAATTTTCCAATCTATTTAAAA
TGAGAGAAAACAGTATGACTCAATTTAGCGAGTTCCTTCTCCCCTTTTCTTCTCCATTACCTCAATTATCTTTG
AATTGTCTCACTATGTTGTTTATTAGTTTATTTTACACACTGCTTTTGGAGTATAATGTTTTGTTTACCTTCTCCC
CCTGTTCCCCACCTCAAACAGTTTATATTCATATGTAAATACATCTCTGGAGATTTTAGTAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_611 AJ576040|Arabidopsis thaliana mRNA for bHLH transcription factor (bHLH-alpha gene)

ACACTCTCCTCTTCTCCCCCTTCCCACTTGAGTTTGAAACTCTCTTCTTCCCTCTCTCAGAAGAACCTCATT
GCTGGATTCTTTTCTCCTTCTTTAATCCATCAATTTCACTCCATTTTCAACTCTATTTCTTCTTAAACCTTCA
ACTTCCATTGCTTGGTTGTTCTTCGATTAACCACCACAAAACGCGCTTCCGTTCTTCGATTCTTCTTCTGAATTCT
ACTTTAGTAGTACTACTCTTTACAGCTTACGTTGTTGTTTCCGGTGATCGGATTTTGCCTCTATTATACTTTGTAT
CGGGATGATTGCGAGCTCTCTTGCAATGCTTCCGCTAAATCCCGGCAGAAAGTATGGAGGTAGAAACGAT
GATGGAACAGAAGAGGAGTCTATGCTCGGTTGATGAGAGCGCTCTCACTTCACTGACACCCAAACGGCACA
GACTGATTTCTCTATCTCCTCTAAGGAGAGGAAAGACAACTGGGTGAACGAATTATGGCATTGCAACAACCTT
GTTTCTCCATACGGAAAGACAGATACGGCATCTGTTCTACTGGAAGCAATGGAATATATCCAATTCCTTCACGA
GCAAGTCAAGGTGTTGAGTGCTCCATATCTCAAAGCACACCCACTGTTTTGTTGCAGGAGGTGGAGCCATGC
AGCCACAGCCTGAGGAGCAGAGGCCTTTGTCTTGTTCGAATCTCGTGTACTGCTGGAGTTGCACGGAGCAACG
GTGCAGATATTTGGGCTCCCGTGAAGACAATTTCTCCCAATTTGAGAAGCACATCTCACCATTCAATTGACCA
TAAAATCAACGAGTCGGCAGCTTTTGCATACGGTTGCTAAAAAGAAAAGGGTAACTACTTATCTTGATATCTA
ATTTTACAACAAATTTTCCCTCTGGAAGAGTAGGAAGATGAATATTGGTATCAAATAATTTAGGCATGGTGGTT
GGAAGATGCAAGTCTTCTGTTGTTACAAAAAACAGAATACGTAGAGTTATGAATCACCACACCATTCTAGTTT
TAACTGGTGAAGAAGAAGGGTATAGTTTATTATCTTTGTAGTGTATTTGGTGTATTAAATGGTGGAAATGTGT
ATATTGTGAAACGAACTATATATGATGAGATCCCAATCAGAAATTCATGGTAGAGTAGCATTGCTACCTGC
CTAAGGTAAAGAGTAGCTTTAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_612 NM_001052164|Oryza sativa Japonica Group Os02g0106700 (Os02g0106700)
mRNA, complete cds

ACACTAATCTTGGTAATGTTCCACCCAGTTTAGGGTTGACATCTGGAGACGGCACTGATTGTATTCCTAAGAT
TCAATGAATTCATCGAGTTGCCCTTCTGCGACCAAGTTGTCCATCAGACGAACTTCAGCGGCATGCCAATGG

TCACCTTGAGGACGGAGACAATGACAATAAACACGCCAACTTGCGATGGACTTTGAGTTGGCCCAACAATTG
GCTTTTTCTCTACTTCTTATGACAATGATGATAATAATGGGGACATGCCACAAGAGATTAAGTTTGAGGGATC
TTTGAGTAGCAACAGGTTAAGTTGTGAGACCGGCACTTTGGTGATGGGGGAGTTGACTGTTACTGAAAAGAT
ATCATGCTTGATTGGTTCACAGAATAGGGGTGCCTTTTGTAAAGGTGGAAGGTGGCCTGATGTCTTTATAAAAA
AATTGCTTAAATTAGAATCTCATGACTCGACTAGTATTTTGTGAGGGAATGTTGATCATTATCAGAATATTGA
GTTTGAGGATTTTGGGTGGGGCTGTAGATGGCGGAACATTCAAATGCTCTGCTCTCATTGCTAATGCAAAGA
CCAGAAACAAGAAACATTTTATTTGGTGGGTCAGGAGTTGTTCCAGATATTCCATCACTTCAGAGATGGCTTG
AGATTGCTTGGGAAAGAGGATTTGATGTACATGGGGCAGAACATTTTAACTACAAAATTTATGGCAAAAAAA
ATTGGATTGGAACCACTGAATGTGCTGCTCTTTTGCCTTCTTTGGGCTTCAGGCAAGGATAATTGATTTTGGT
CCTAAAGAGTGTGAGGAACCTTATCTCTCAGTCCCTGGTTCAAGTAGTGGTGCACAAATGGTAAACCTAATCG
ATGCAAATAAGAGAAAGACAATTAAGGTTTTTGGGCCCATGGATAAGTATCTTGTCCGTAAAAATGATAGTGA
TCCACAACTGGTTCTAGTGGGCATGAAAATTCCGTCTATTTTAGAATCCCTCAAATGTCACGAAAAATAAGT
CCCTAAAAAAGCAAAGGGTCATCAAGTTCTAGTTGATTGGGTCTGGAATTACTTCTCTGATGGAAGGATATG
CACAAACGGTCACCAACACGTTAATATTAGTGAAAAAACGCCATTGTTCTTTCAGCATGATGGACATTCTAGG
ACTATTGTGGGGATTCAAGTTAAACAGCAGTGAATGGAATGCGGCAATATAATCTCTGATTTTGGACCCAG
CTCATAATACTAGAGGCCTTGAAAGGGCACTTAGAGAGAATATTGGATG

>trans_s_613 XM_002314593|Populus trichocarpa SIN3 component, histone deacetylase complex (SNT902), mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGAACTTTTGAGATGTTTTTTTTCTATTTGAGAAGAGCAGGAA
AAATAAAGAGAGATGATCGTGACCCAGAAAGTACAATCTTTACATCATAAAAAATTTACCCTATTTACAGAAAT
GTGGCTCAGTGTGAGCCACTAACTCAAGTAAATGCAATAACCATCGACCACTATATCTCCTCCCAATGCCTTA
TTTCATGGTGAGGCTCAGATATAAATAAGAATACACTAATAGAGTAAAGGTAATGCAAAATACCCGCTTCAC
TATTGCCCCAACCTTCGATTTTTTCAAGTTCCTCAGTGCCTCCGTTAAAAGTTACATATTTACTTCAAACTCAACT
TCTTGATGGTTTGGTGTATCATGAGTTCTCAAGTAGCTTGTGGAACCTTCTTACCCTCCTACTTGAATCGCCACT
AGAAGACCTTGACTGGTTGTGGCATGAGCTATTTCCATGCAACGTTTCTTTTGTATTTCTACGAAATAAAA
AGTCTTCTGTATCTAAACGTACGAAACCTTTGACGAATTGCATGCAATTTTACACTCCAGACCATTAACAATCT
TAAGCCCTTCAAAGCATGGCATGCAGCAGAATTCTCATCGCCACAGGCATATTTACGTTTGTCTCTTCAAG
AAGATCCCTGACTTCACTTTTTTCTCGGGGAGAACTGAGAAGAAGTCATTATGCAGATAAGACGAAAAAATGG
GGTCCATGGAAACAGCCGTTACTTCAGGCTTATCGTAGCCATAGTCCATAAGCTGAATCGAAAGATGAGTAGG
AGTTGATGATCGTTCTATGCGATAGATATTATCATCATGAAGAAGTACACGAGCATTTTCATGATAAACTGCAT
CAACAAATCTTCCCACTTTTCTCGACTTCTCATACGCATATAGTTGGAGAAGTTTGTGTCCATCTCATCTGAGG
CAACTGTTTGAAGCTGTTTGACAATTTTATAAATTAGTTTGTCTAATGTGAACAGAACATATGACTGGGTCCA
ATAGTAGCTCGGCAATCATCTTCAAACCTTTGTGTTATCAGAGGAACCGTCCAGTAGACTATAAAGTGCATTCT
GAACCTGGCATAAAGATCCGTGGGGGTTGTATCATTTGAGGCCCTCCATTTCTCTCTGAGGATGAAGAGTTG
ATCTTTGCAGATTGTATTCTCTCATACAGCGTTTGGTGAAGCCTAAAAAGCACATAAAAAGAGTCATTTCCATA
AAATACATGAGACTCCTTCTCTTCTCATGCA

>trans_s_614 NM_105278|Arabidopsis thaliana translation initiation factor-related (AT1G66070)
mRNA, complete cds

CACCCTCGTCTTCTCCTTCGTCAGATCGTCTTCGACGCCTCGTCTGCTCTCCCTCGTCTTCTCCTTCGTCAGTTG
TCTACGACTCTACTCAGCCAACTTCTTCCGTTCTTCGTCTTCTCATTTCTTCTCTCCTCCGATCTCCTCGTCCGT
CAGCGATACGCTTCGTCCCTCTTCTTGTTCAGCTTTCGATTTGATTGCCATCGTAACAGGGTTGGGCGGCAC
AGAGTTGAATTTCTAGTATTTTCTGAGTAGAACGTGATTCAAGTCAATGGATGACTGGGAGGATGAGAACATT

CCACCACTCCAGAAGGAGCAGCCAAAAAATAAATGGGATGATGAGGATGTGGATGAAAACGATGTGAAGGA
ATCCTGGGAGGATGAAGATGAACCTGCACCAGCTCCAGTAGTTAAACCTACTGAAGCTGCCCCAAAGAAACC
AGCTTCAAAAGCTACTGAGAAGAAAGGGAAAATTGTTGAGGTAGAACCTGAACGGCCTCTAGATCCATTAGC
TGAGAAACTTCGGCAACAAAGGCTAGTGGAAGAAGCAGATTACAAGTCCACTACAGAATTGTTTAGAAAGAA
AGGCGATGAGAAGACTCTTGATAATTTCAATCCAAAATCTGAGAGTGACTTCTTGAATATGCAGAGCTAATC
TCTCATAAACTTCGCCCCTATGAGAAAAAGTTCCATTATATTAATCTGCTCAAAGATGCCATTAGACTATCGATG
GTTTCTTTAAAGCAGCGGATGCAAAAGATGTTGCTTCTTCTATTACCGCCCTTGCAAATGAAAACTAAAGGC
CGAGAAAGAAGCCAACACTGGTAAAAAGAAATCTGTGAAGAAGAAGCAGCTTCATGTTGAAAAGGCAGATG
ATGACTTGATCGTCAATACTTATGATGATGTCGATGATTACGATTTTATGTAATTGCTCCAATTCAGTATCTATC
TTGAGTCTCATCAGTTTTTACCTGCGAATGGTCAGATTATTTGGCATATCTTCTCCTTTTAAACAACAATA
GATTGGTTCCTCGAGTGTCTGTCTAAATAAGGTTTATGTATTAGACTTGTGTATGGCATATTATTTATAAATTT
TGGCCTATTACCAAATTTTCATTTTTATTTTGTTCATAGAAAGATGGTTAAGAGTCGCCCTTTGAGAATGTACA
AGAACGAGTCGTCATTAACCTCAGTTGTCAAGTTTTGTATGTCGTGAAAATGCTTCCTTCTATTAGAATGACATTT
TCTTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_615 NM_111872|Arabidopsis thaliana SDP6 (SUGAR-DEPENDENT 6); glycerol-3-
phosphate dehydrogenase (SDP6) mRNA, complete cds

ACTCGCGGGTCAATGTAGGGCTGGCTTGTACTGCCGCTCTCGCTGGCGCAGCGGTGCTTAACCATGCTGAAGT
TGTGGGATTTTTGAAGGATGAGGCGAGTGATCGAATTATTGGTGCTAGAATTCGTGACAAGTTGTCAGGTAG
AGAGTTTGATACCTATGCAAAGGTGATTGTCAATGCTGCTGGGCCATTTTGTGACTCAGTTAGAAAGATGGCT
GATAAAGAGGCAGTGCTATGATCTGCTAGCAGTGGTGTCCATATAGTTCTACCTGATTATTATTCTCTGA
AGGAATGGGTCTAATTGTTCCCAAGACTAAGGATGGGCGTGTTGTGTTTATGCTTCCATGGTTAGGACGAACA
GTTGCTGGAACCACAGATTCCAACACAGGCATCACGATGCTTCCTGAGCCACATGAGGATGAAATTCAGTTTA
TACTGGATGCAATCTCTGATTACCTTAACGTGAAGGTGAGGCGAACAGATGTTCTCTCAGCATGGAGTGGTAT
TCGTCTTTGGCTATTGATCCATCGGCTAAAAATACAGAGAGCATCTCAAGAGATCATGTTGTATGTGAAGATT
ATCCTGGATTGGTCACAATCACCGGTGGGAAATGGACTACTTATCGGAGCATGGCGGAGGATGCAGTTAGTG
CGGCTATAAAGTCTGGCAAGCTGAAGCCGACAAATGAATGTGTAAGTGAAGCTGCAGCTTGCTGGTGANA
GATGGATGGGAACCTGCATATTTCACTGTCTTAGCTCAACAATATTTACGCATGAAGAAGACCCATAATGGTA
AAGTTGTCCCCGGGGTTATGGACACTGCAGCTGCTAGACATTTATCTCAAGCTTATGGCGTTTTAGCTGAGAG
AGTGGCCGCCATAGCCCAGAATGAGAGTTTGGGCAAGCGGTTAGCCCATGGCTACCCTTCTTAGAGGCAGA
AGTTGCATACTGTGCACGACACGAGTACTGTGAATCTGCAGTGGATTTCAATGCCAGAAGATCAAGACTCGCT
TTCCTCGATACAGACGCTGCTAACCACGCATTACCACGAGTAATCGAGATATTGGCAGCTGAACATAAATGGG
ATAGGTCAAGACAGAAGCAAGAACTAGAGAAGGCCAAGAAATTTCTAGAACTTTCAAATCTTCAAAGAATG
CTCAATTCATGATGGAAAACAACTAGTGAGTTCCTTCAATGCTCTTTATTTTGTAAATATTTAGTTTCAT
AAATATATTTTCATCATCGTGACTAAGCTTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_616 AB433810|Lotus japonicus LjCPR1 mRNA for cytochrome P450 reductase, complete
cds

CAGCATTGCTTGCAATAGCAGCACATGCTTCAAATCCTATAGAGGCTGACCGATTGAGATATCTTGCAACCT
TCTGGGAAGGATGAATATTTCCAGTCTGTGGTTGGTTGCCAGAAAAGCCTGCTTGAAGTCATGGCTGAATTC
CTTCTGCCAAGCCTCACTTGGTGTCGTCTTTCAGCTGTTGCACCACGTTTACAGCCTCGATTCTACTCCATAT
CATCATCTCCAAGGATGGCTCCATCTAGAATTCATGTTACTTGTGCTCTTGTCTATGACAAAATGCCAACTGGA
CGTATTCATAAAGGAATCTGCTCTACTTGGATGAAGAATTCTGTGCCCATGGAGAAAAGTCACGAGTGCAGTT
GGGCTCCAATTTTGTGAGGCAATCGAACTTCAAGCTTCCTCAGATAGTAAAGTGCCTATTATCATGATTGGT

CCTGGAAGTGGATTGGCTCCTTTCAGAGGTTTCTTACAGGAAAGATTAGCTTTGAAAGAATCTGGAGTAGAAT
TGGGGCCTTCCATATTGTTCTTTGGATGCAGAAACCGTGCGATGGATTATATATACGAGGATGAGCTGAACAA
CTTTGTGCGAGGCTGGTGTCTCTCCGAGTTGGTTATCGCCTTCTCTCGTGAAGGGCCAACGAAAGAATACGTG
CAACATAAAATGACAGAGAAGGCGTCAGACATCTGGAATTTGATATCACAAGGTGCTTACTTATACGTATGCG
GTGATGCAAAGGGGATGGCTAGAGACGTCCACAGAACTCTCCATACCATCGTGAAGAACAGGGATCTCTTG
ACAGCTCAAAAGCCGAGAGCATGGTGAAGAGTCTACAAACGAGCGGAAGGTATCTGCGTGATGTGTGGTGA
TAAACTGCTCAACCCATGTGATCTCCAGAAAGGCATAATAATTAATAAAGAAAAGTAAATGTGGTTGAATTAA
ATTATTATCGAGTTCCTATGTCAATCACTTGGATCGAGACTTTTGATGGTCTTCTTCTTAGCGAGGCAGAGGTT
ATGGTATTCTCTCTTTTCTATCTCTCCCCATTTTGATCTACAGCTAAATATGAAGTATTCTTTTGTCTTGAATT
TATAGAATACAGAAATATAGTTAAGTCATTAGTTAGAGCTCTCGTTTCTTAGTGTTATTGTGTACCCCAACCAA
CAATATGGTTCAAACTTCAAAATCTTATATACTTTGCTGTAATATTAAATGGATCAAATAATTTCCAATTTTTTG
TCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_617 NM_001069529 | Oryza sativa Japonica Group Os09g0363700 (Os09g0363700)
mRNA, complete cds

TAGGCGCGAGAGAGAAAACAGAGAATAAAGAATTTGGGCAGGGCCCCATCAGACGCTCTGTCCAATCTGTCA
TTTCCGCCGCCGGCTCTCCTCTGTTTCAACCTTCTTCTTTACACTTCATCTTCTCTGTTCTCTGGATTCCATCTC
ATTTTCATACTGATTATGGCCGAATCCAAATCGAACCCTTCGCCATCCTCTCTTCTCCCGAAATGTTACAGATT
GATGGATCGCCTCGTGATACCAAGGAGACTCATGGAAGGCGTAATGACATTGACGAGAACACCCCGTTGGAT
GAAGTCAAGGCGCCAAACGTGTTTGAGAGAATGAAAGAGGAGATTGAGGCGCTTGTCCAAACGATCCAAGC
AAAGGATGACTCTGTGGCAGCAGAGTCCAAAGAGGATAAAACAGACTCTCAATCAGATGGTTCAGTCATAGC
AGCAAAAGTGTTTGAAGAGCAAAGGATGAGATTGGGAAGATGTTGCACATTAATAAAACGAAGGAACTC
ATGGCCAGCGTGATGACATAGGAGAGGATACCCCTTTAAATGAAGTCAAAGCTCCTAATTTATTAGAGCGTGC
AGTGGAAGAATATGAGGCTTTTATGCAGACCATTAATTCTAAGAAAGAATCTCAGACATCCGACAAAAGGGAT
GAAAATGTTGCATCAATGCAGAAAGAAGCAATGCCTCTCTCAGAAATTAGTTCAAATTTGATAATTCCAATCAA
TGAAGTGATGGGGCCAAATATTTTGAAGAGGCCAAAGATGAAATGGAGGCACTTGTTTCATACCATCCATCCT
AAGAAGGAACTGATTCACTAGCCAAAGAAGGATTTCTACAAAACCTCGGAAAATGTTTGGAAATAATATGCT
CTCCGTCGAAAGAGAAGGATAATTGAAAGAGAAGGATAAAATAAGCCAAAGTTCTGCACAAGTCGGTATATT
GCCTCATTTCTACAAGAAGAATTTCACTATCAAGTATAGTTTCTAAGCCTTTTCATCTGTATGTGTAATCCTTTTC
ATCTGTATTTTCTCATTTCTATATGCTTCTTGAATTCATCCACTTTTTCTTCCCCATTATTGTAATATAGGAAC
TTTGTACTTTTCCATTTTGGGAATTTGCAATTTGACAATCAAGTATATTTCACTACTGTAATTGTGTATCCTACAA
TCAATTAAGCTGAAATTTGCAATTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_618 NM_001063131 | Oryza sativa Japonica Group Os06g0112800 (Os06g0112800)
mRNA, partial cds

TTCCATTTAGGGTTTCTTAGGATTTTCATTGTTTTGGTCCTATTTGATAATCATTGGATTGGTTTTAGGTTTTTG
AAAATTAATCTTATAAACACTATTTCTTCAATCAAGTTTCATGGTTTTGTTATCCACTTTTTACTTATGTTTTTAA
ATTCAATCTAATTTAAAAAACCAAAAAAGGTAATTTTAAATCATGTTTTAAGAATGAACTGAGTGAAAA
TAAGCATAAATTTGAAAACCATAAAACAAAACAGCAAAATCATTGTCAAATGGGCCAAAGCTTTTTATTGGG
ATTTATCACTGTGAATGTGTAAATTATGATAAGAATTTCTCAGGCTCGAGGTGGCATTGCTTCTTATTATCTAC
ATTGCGTATGGGTATTCAGAAGGAGGTGCAAGTACTTTGTTTTACTTACTCTCAGCAGTTGGTTCCTCGTAAT
TTCGTGGCTCTTTGCTCCTTACATCTTCAATCCATCTGGTTTTGAGTGGCAAAGACTGTGGAGGATTTGACG
ATTGGACTAGCTGGCTATTCTACAAAGGGGGAGTAGGGGTTAAGGGAGAAAACAGTTGGGAGTCATGGTGG

GATGAGGAACAGGCACATATTCAAACCTTCAGAGGTCGAATACTGGAGACAATTTTGACCGTGAGGTTCTTCA
TATTTCAATTTGGAATTGTGTACAAGCTCCATCTCACAGGAAAGGACACATCACTTGCGCTCTATGGTTTTTCGT
GGGTGGTGCTCGTTGGGATTGTTTTGATATTCAAGATTTTACCTTCAGCCCTAAAAAATCGACGAACTTCCAG
CTATTGATGAGATTCAATTCAGGGTGTACAGCCATTGTTCTGGTTACAGCTCTTGGTCTAATTGTTGGCTTCACT
AACCTATCAATAACCGATTTATTTGCAAGTCTTCTAGCATTTATTCCTACTGGATGGGCCATATTATGTCTTGCA
GTTACTTGGAAGAAAGTGGTGAGAAGTCTAGGTTTGTGGGACTCGGTACGTGAATTTGCCAGGATGTATGAT
GCAGGGATGGGATTAATAATATTTGTGCCGATCGCATTCTTATCCTGGTTTTCTTTTCAATTTCCACGTTCCAATCT
CGTCTGCTCTTCAATCAAGCTTTTACGCCGTGGGCTCGAGATCTCCCTCATCCTTGCTGGAAACAAAGCTAACAT
CGAGACATAGTGATTTTACTAGAGAAGAACTCATTGCCAGTAATGTAGATAGATATAGTGGTGTACACTTTAA
TTTTCTGTATCGTAAATTCATTTCTGAGTT

>trans_s_619 AF329506|Glycine max mitogen-activated protein kinase 2 mRNA, complete cds

ATAACTTTTTACAACAAAAAAGGAAGAAGAAGAACAACAACAACAAGGGCTGCGCCAAAACCTTTTT
ATAAGCAGGAACGGTCAGATCATCAGATCCATTCCATTTTTTTTTTTTTTCAACTTTGATCCAAATTAAGCTCTA
GGGTTTTTCTAATTTTTTACATTCTGTTCTGTTAAAACACCAATCAATTTGAACCTCCACCTCAATTTAATGGACG
ACGGAGGAGCTTCTCAGCCGGACGACACCGTCATGTCGGAGGCGGCGTCTGTACCTCCACCGCAGCATGACC
CGGCGGCGCAACAGCAACATCAACATCAGCCGCCGTCGATGGGGATGGAAAATATTCCGGCGACTTTGAGCC
ATGGAGGGAGATTTATTAGTATAATATATTTGGTAACATCTTTGAAGTTACGGCCAAGTACAAGCCTCCTATT
ATGCCTATTGGCAAAGGCGCTTACGGCATCGTCTGTTCTGCTCTCAACTCTGAGACGAACGAGCATGTGGCGA
TTAAGAAGATTGCTAATGCGTTTGATAACAAGATCGATGCCAAGAGAACTCTTCGTGAGATCAAGCTTCTTCG
GCATATGGATCATGAAAACGTTGTTGCGATCAGGGATATCATACCTCCGCCTTAAGGGAAACATTTAATGAT
GTTTATATCGCATATGAGCTAATGGATACCGACCTTCATCAAATAATTCGTTCAAACCAAGCATTATCAGAGGA
GCATTGTCAGTATTTCTGTACCAGATACTTCGTGGATTGAAGTACATACATTCCGGCTAATGTTCTGCACAGAG
ATTTGAAACCTTCCAATCTGCTATTAATGCAAACCTGTGACCTGAAAATATGCGATTTCCGACTTGCTCGTGTT
ACTTCTGAAACTGACTTCATGACAGAATATGTGGTTACTAGATGGTACCGTGCACCAGAGCTCTTACTTAATTC
ATCTGATTACACCGCAGCTATTGATGTCTGGTCTGTTGGTTGATTTTTATGGAACAAATGGATCGGAAGCCCT
TGTTTCTGGTCTGATCATGTGCATCAGTTACACTTGCTTTTGGAGCTGATTGGCACTCCATCAGAGGCTGAT
CTTGTTTTTTGAACGAGAATGCTAAAAGATACATACGGCAATTACCTTATTACCACCGTCAATCATTACCGA
AAAGTTTCCACATGTCCATCCTGCAGCCATTGATCTGGTTGGAGAAGATGCTAACATTTGATCCAGGACAGAG
AATTACCGTTGAAGACGCTCTAGCTCATCCCTATTTGA

>trans_s_620 NM_001059884|Oryza sativa Japonica Group Os04g0524400 (Os04g0524400)
mRNA, complete cds

CGAGGTGTGAGGCTTCTACGGATATGCTTGAGGCTGCTGAGGCAACCGGGATTTCGGGAAGTTTTTCTTCATC
GTTACTTGGAATTGCAGGGGTCAGGTTGGTTGTTAGGCTTCTTGATGAACTCCTGCTCCATGTTTCGTGACCGA
ATGCTAGCAGATCCATCTTTTCTTTTAAAGTCGGAACAGAGGTAGTAATCGATTGATGTTGTGCTACATTGCGC
TGAAGTTCAGAAAAGAGGAGAGAATTTCTGGGCAGAATTTGAGTTGATTGCTGCTGATCTATTGGTTGGTATT
GTTGTTGACGTTGCTTTGGTTGGTATGTTAGCACCATATGCTCGTATAGGACAGCGACCTGTCTCAAGTGGCTT
ATTGGGACAGATGCAACATGCTTATTCTTCTTCCCAGCAGTGTTTTTGAAGCTGAAAGGCCGGGGTGTA
TTCACTGTGAAGCAACGAATTGCATCATATTTCTATAAGGGTGTCTTGTATGGCTCAGTGGGATTGGATGTG
GTCTCGTTGGCCAGGGGATTGCTAATTTGATTATGAATGCAAAACGGTGTATAAAGAAATCAGATGAGGACG
TGCCTGTGCCTCCTCTTATTAGAGTGCTGCTCTCTGGGGTGTCTTCTTTCGGTATCTTCCAACACTCGTTATC
AAATTGTGAACGCACTTGAGCAGATTGTGCAAGCGTCGCCTTTGGGAAAGAAAAATCCACCTGTGGCAATGG
CTTTACAGTTGGTGTGAGGTTTGCCAACAACATTTATGGTGGTATGCAGTTTGTGGATTGGGCAAGATGGAG

TGGGGGTCAATAAATTTAACATGCTGCGTTATTTAGCCTTAGTCGTAAAAGAAAAAAGGTCCCTTAGTTTGGC
GCCCTATAGTTGTAGCTTGATCTATGTAAGCTTTAGGTTTAGGAACTCAAATCCCTTTAAGGGGGCAGTCTTAG
TGCGAATAGGATGTCAATTTTCTATGAGTATTCTTTGATAGTACTTAGGAGTTGGTAGGATCATCTTGGCTT
TATTTATTGGATAATTTGAATGCATGGAAAATTTGCAATACAGCCCACTCATGGTGGAGCTGGCAAATTCACCT
CATTAGGACTTTTTATTTTCTCTCTTTTCTTCTCAATTGGGAGTCAATAATCTATTGTGAGATAGACAAATTA
GATAATCTCTCTCTAATTAGATTTTCATTAGAGAGACTTCGGCATGAAGAACCTCTCCAGGTGTAAAATACATCT
TTATTATTTTACTATCAGTATTTTATATACTAAGGTATGT

>trans_s_621 D29629|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for aconitase, complete cds

TGGCACGCAGCCCTAAGTCTCTCATTCCCTCCTCCCAATCTCCACACGCCCTTTCTTTCTCCCTCTCCCTGAGAA
CGACGACCACCACCTCCATTTCTTCTTCATTTTCAGTCTCCCCATACCTTTCTTTTTATCCTCATCTGTTCAATC
TAGTGTATTGCCCCGACATGTTCAAAAAGTACTTATGAATCAATTACAAAAGGAAACCAATGTGGAACCAACTTT
CAGTACCTGATGGCACCTGTACTCGTGGGACCCCAAGTCCACCTATATTCATGAACCACCCTACTTCAAGAAT
ATGACCATGGACCCTCCAGGAGCACATGGCGTTAAGGATGCTTACTGCCTCTTGAACCTTTGGAGATAGCATCA
CTACAGATCACATTTCCCCTGCAGGAAGCATCCACAAGGACAGCCCTGCAGCAAAATACCTTCTTGAGCGTGG
AGTGGACCGCAAGGATTTTAATTCTTATGGAAGTAGGCGAGGCAATGATGAGGTGATGGCAAGGGGTACTTT
TGCCAACATCCGTCTTGTTAACAAGCTTCTAAATGGTGAAGTAGGCCCAAGACCGTTCATATCCCCTGAGG
AGAACTTTTATGTCTTCGATGCAGCAGAAAGATACAAGTCAGCTGGTCAAGACACCATTGTGCTGGCTGGAGC
TGAGTATGGAAGTGAAGCTCTCGGGATTGGGCTGCCAAGGGCCCAATGTTGTTGGGCGTTAAAGCTGTTAT
TGCAAAAAGCTTTGAGAGAATTCATCGTAGTAACCTGGTGGGAATGGGTATCATTCCACTGTGTTTCAAGGCG
GGTGAGGATGCCGATTCACTCGGATTGACTGGTCATGAGCGTTACTCAATTGACCTCCAAGCAACATCAGCG
AGATAAGGCCTGGCCAAGACGTGACTGTCACCACTGATTCTGGCAAATCTTTCACCTGTACGGTGCCTTCGA
CACTGAGGTGGAGCTGGCCTATTTCAACCACGGAGGTATCCTTCCATACGTTATTCGAAATCTCATTAAAGCAAT
GAGGAACATGTGTGGAGTTTTCTGTTTAGCAGCATCAGCAGGAGGGGGCTTGGGCGTGAACCCGTCCTTTTC
TTATTCCCATTTCGTTAATAAGGAAATAGAAAATCCCTGATGGGACTCAATTTTTTTGAATAGAGAGCGATC
TATAAGCAGCAGGTTAGCCTGTCTAAGAACTGGCGAGGTTGTATTTATTTCAATTGTATCGATTATTTTCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_622 XM_002882957|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GDSL-motif lipase/hydrolase family protein, mRNA

ACAGCGCTAAAGGAGATGGATTCCATTATTAGCAAAGTGTTGGTGTGTTCTTTGCATTTTTGCTTGGGAGTG
GAAATGCTCAAGATTCTACCACTTTGGTGCCTGCTATCATCACTTTTGGCGATTCTGCCGTTGATGTGGGAAAT
AATAACTACCTTTACACTATTTACAAGGCCAACTACCCACCATATGGAAAGGACTTCGCGAATCATCAGCCAC
TGGCAGGTTTTGTAATGGAAAACCTGCAACTGATTTCACTGCTCAAACCTTTAGGATTCAAAACCTTTCCATTGC
CGTACCTTAGCCCAGAGGCATCGGGTAAGAATCTTCTCATCGGAGTCAACTTGCCTCAGCTGCATCTGGTTAT
GATGAGAATGCTGCCCTCTTAAATCATGCACTCTCACTGCCCAACAAGTTGGATTCTTCAAGGAGTACCAGGC
CAAGCTAGCTAAGGTAGCTGGTAACGAAAAAGCTGCATCCATAATCAAGGATGCACTCTACTTGCTAAGTGCA
GGAAGTGGAGATTTTCTACAAAACCTATTACATCAATCCTTACATTAATAAGGTCTACACTCCTGATCAGTACGG
GACGATGCTCATCGGAGCATTTACAACCTTTATTAAGGACATATATGGTTTGGGAGCTAGGAGAATTGGCGTG
ACTTCACTTCTCCATTAGGTTGCTTTCCTGCTGCTCTCACCTTATTTGGGAACCACCAAAGTGATGTGTCTCA
AGGATTAATACCGACGCGCAAGCCTTCAACAAGAAGTTAAATGCTGCTGCAGAAAGCTTGAAAAACAACCTC
CAGGTTTTAGAAATTGTCATCTTCGACATTTACAAACCACTCTACGATGTCATCAGTTCTCCATCCAAAAATGGCT
TTGTGGAAGCCAGAAAAGGCTGCTGTGGAACAGGGACAGTAGAGACAACATCACTTTTGTGCAATCCCAAT
CCTTGGGTGGAACCTGCTCTAATTCAACTCAATATGTGTTTTGGGATAGTGTCCTTCTGAGGCTGCTAAT

CAAGTTCTTGCTGATGCCTTGATCCTCCAGGGATTGCTCTCCTCTAGATCACTAACTTCATATAAATGATCTC
CAATCCAAAAATTTGTACTGTGTTTTATTTATGTATCTGAGAAAAATTGGTCTATGTATTGATATTATTAAGTAC
ATGTGATCATTCTGTTATATTGTAAGTTTATTTGTTAGGTACGAAAATTGGGTTTAGCTTGCGAGTTCATGAT
TTATTAAAAATTTATATTTAGCCAAAAA

>trans_s_623 XM_002894336|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family
protein, mRNA

ATGGAGGCAATGCCAGGGCCGTGCTCTCTCAGCCCCTCAGCTTGCCGTACCTTATCCACTCTCTTCCCTTTCC
GCCTCCACGAGATCGTACTGCTACTTCACTGCTGTCAACCACGAGAATCAGACCGGCATCTGCTGCCTGAAGAA
TCATAGCCGGTGCCAAGGGAAAAAGACGAAATGAACGATGGCGATGCTGATTCAACCGGGTTCAACCCGTTTG
GGTTCGTCCTGACAATCCGTCAAGCCGAAGTGCGATTCAACTTCCTGAGAGCCCGGTGAGGATGGCAATGT
CGGCCAGATGCTCTATAGAATAGAGGACAAGGGAAAGGAATATGGCTCTTACGTAAAATCTGGGAAATTAAG
ATGGTTTGTTAGAGAGACTGGGTCTGCCAAAAGCCGACGGGGAACTATAGTCTTCCTTCATGGCGCTCCAACA
CAATCTTATAGCTATCAAGTTGTTATGTCTGAGTTGGCTGCTTTGGATTCCACTGCTTTGCTCCTGATTGGATA
GGATTGCGTTTCAGTGACAAACCGCAACCAGGATATGGCTTTAATTATACAGAGAAAGAGTACCTCGAGGCA
CTCGACAAACTACTTGATGTGCTCGGTATCAACACACCCTTAATCTAGTGATTCAAGGGTTTTCTGGTGGGATC
ATATGGATTAACATGGGCTTTGAAAAATCAGAGCAGGATATCAAAGATATCCATTCTAAACAGTCCATTAACG
GTTTTCTCTCCTGTTCTGGGTTGTTTCAACAGCTAAGGATCCCTCTGTTTGGTGAATTTACATGCCAGAATGCA
GTTATGGCCGAACGTTTTATTGAAGCAGGTAGCGCATACGTATTAAAGCTGGAAAAGGCCGATGTTTATAGAC
TTCCATACTTGTCTAGTGGAGGACCTGGTTTTGCTTTACTTGAAGCAACAAGAAAAGCTAATTTCAATGATATC
TTAAGTCGGATAACTGCTGGCTTTGCTTCTGAAAGATGGGACAAACCAAGTCTTGTTCTTTGGGGCCTTTCAGA
CAAGTATCTTCCTCAGTCCATTGCCGAAGAGTTTCAAAAACAGAACTCGACAACAATCCAACCTCAAGTTAATTG
AAGGAGCTGGCCATATGCCCAAGAGGACTGGCCGAGAAAGTCAATTGAGGCTTTGCGGTGCTTTTTCTGAA
ACTTTACAGGAGAATTTGCGTTGCCATCTCGAGATTCTTGGTAACTCTAATGTGCATAAATGTAGTTATTTGT
ATGTATCTACATTAATGGTTCATCACTACTCGTACATGAAA

>trans_s_624 FJ917288|Physcomitrella patens CLF protein mRNA, complete cds

AGATACATTCTCAACCAAAGGGTTGGATCAGCAGCAAATTGATCTGATTCAAGGATAAGATACATTGCATAT
GAATGTTTAAAGAGACCAAGTTGGAGGTCCAATTATATTGTCCTCCATTCCCCAAATCGAACTCGGTAAACGAAT
TAGGGGAAAAGAGAGGGTCAGAAGGAAGGGTACAGGAAAACGTATAAGGAAGGAGGACCATTGCAATAT
AATGCAATTAGTGAAGATGATCACTCTCATTTTTGTGATTCTGCCATTGAGGTTGATCAATTACAACCTCCATCAC
ATGAACAGATCTGGAACATCCGGAGTTATGTTCTGTTGACTCGGAGGTTGATCATTTACCGCTGATTATGAA
GTTGATGAGGATGATAGTATGCAGTTATGTGAGGCCAACATAGGGGTTGACCATTCTGACATGATACATAATG
CTGCTGGGGGAAATATGGCTGAGTTAACCCATGCTGATATTAACTTGATGAAGCTGAGCTATGCGTCGCACC
TAAGGATGTTGATGACCTGCATTTATCTGATACTATCAATGAAGTTACAAATACCCACATTTGTGGTGCAATGG
ATACTGGTGATCCACCGCATTTTATCTACATCTAAGGAAGCCAATTATCATTTAAACCGAGGATGTTAATATGCC
AAAGTTTCAGGCACAGGTAACAATGTTGACAATTCAGAGCTTTGCCATGGCACTATTTAAAGCTCTCCTCAAA
CAGGAGAACTAGCTGCTGAGATTATTTAGAGTCATCATTTGTTGTACCTCACGAGGATATAATGCACAAAGG
AAATAACAATATTTACATAAAACAAAGATGAATATGCAGCACCCCAAGGCTAGTGCTTAAATTTTTTAAAGCTG
TCTGATGACCTTGGGATGTAAATTCTTTGTAAGTGCATATTGGTAGGTTAAGATACTACATTTTTTGGCCCATCA
ATCGTATTTGAGTACACATGGAATTAATTGAAGCAAGTAGGATAGCCCAAAAGGAAACAAACGTTTGCTACCA
CTACTGTCTGAAGAACTGCAATAAACAGATGGTCCATTTTAGATGTCAATTTCTGCCAATTTTGCTGATCATT
CAGGAGTGTTTGATTCCCTTTGATGGTTTCTAATAACTCACCCCAATATTTATATTATAAACCCATAAAATAGA

CTCGAGTGTTCCTTATTTGATTCTTCAGTTCTTCTCTCGTCTATGGCGACTTCAGATCCTACCACAAAGAAAAAAT
GAAAAAACGTAAAGGGCCAAAGGGCCAAATGGCCAA

>trans_s_625 NM_118970|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein
(AT4G28300) mRNA, complete cds

AACCCATATCCAGCATGCCCAGACCCAATATCAACAACCTCAAGATGTTTCTCGGTTGCCATCACACATGACTA
ATTCCCAGCTAAGTCAAACCTCCACCACCACAACAATTCATCAGTATCAACAACAATGGACGCCACTGCAGCA
GCAGCAGCAGCCACCCCAACAGGTACAACCACCACAACAACAGCCTTCTATGCAACAACCTCAGATCAGGCCA
CCGCCTACTTCAGTCTACTCTTCTTATTCTATGAATCAACCGACTTCTATGCCAGAGACTCTTCAAACAGCATG
CCTATGCAGTTGTCATTTTCACCTATTCCTCAGCCGGGTTCAAGCCGTATAGACACTGTCCCATATGGATACGTT
GGAAAGTGGTGTACTGTGTCCAGCAACCACCTCAAGTCAAAAATGCTTTTGTATCACAAGCTGGAGAAGGTT
ATTTACCTTCTGGACCGCAATCTGCACTTTCCTCGGGAGCTTCATATATGATGTACGATAGGGAAAGTGGAAG
ACCGCCACACCATCCTCCCCAACCTCAACAACCACCACACCATCCTCCCCAACCCCAACAATCACACTTCAACCA
AAGTGGATACCTCCAGCCAATGGATCTATTAGATTCTCAGCATCCATCGGGCCCCCAGTTGTCGCTAGGA
ATCCGAACCATCCGCATTATATGCGCAACCAAAACCAAAACCACCTTATGGTGAAATAGTTGAGAACTGGT
CGGCATGGGTTTTAGGAGTGACCACGTTGCTAGTGTAATTCATAGAATGGAGGAGAGCGGCCAACCTGTTGA
CTTCAACGCTGTTCTAGATGGGTTGAGTAATTCGGAGGTCCTCAGCGGGTATGGTGACGGTAATTTTAGTAG
CAAAGTCGCCTGTTTGTTCACGTTGAAGCTTCGTATCGGCCATGACCAGCCTAGCCATTGCTACTTTTTAAT
GCATTGAATAAAAGACTGGTTTTTAGGATTCCATTGTGTTTTCCCTCCCGTATATAATGTTATATGGTTTGC
GATACAAAAGAAGTCGACTGTATTTTATGTTTAAAGTTTAAACGTTGTATGAATATCTTCTACCCTCATTCTCTA
ATCTTACCAGATGATTATCTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_626 NM_001125844|Arabidopsis thaliana PGLP1 (2-PHOSPHOGLYCOLATE PHOSPHATASE
1); phosphoglycolate phosphatase (PGLP1) mRNA, complete cds

AAGGCGCTACAGAAAAGAAAAAGGTAAACAGATATGCTGAGCAGAACAAGCACAGCGGCTTCTCATTCACTC
ATTGTTGCTTCTTCAACAAATGCATCCAAATCCTTTTCCAATTTGAACCGCAACATCCCAGATTCTTGGGTTTC
AACCATTTTTCTCCTAATTTACCGACTGTTCTGTCTGGGTATGTGAGTTTTGGATGGAATACTAGCTCCAAC
AGGAAGTTTAAACAGGTCTAGAATGGATGGATTTGCTGTTCTGCTCTGCTCAGCCACTTCAAATGCTGATG
AACTCATTGATTCAGTTGAGACCTTCATTTTCGATTGTGATGGGGTTATATGGAAAGGAGACAAGCTTATAGA
TGGAGTTCCAGAAACCCTTGATATGCTTCGATCAAAGGGAAAGCGATTAGTTTTTGTACCAACAATTCACG
AAGTCCAGGAAGCAGTATGGCAAAAAGTTGCAAAACACTTGGTCTTAATGTCACTGAGGAAGAAATTTTTGCAT
CATCTTTTGCTGCCGCTGCATATTTGAAGTCCATTGATTTCCAAAAGAGAAGAAGATATATGTGATTGGTGAG
GAAGGCATTTTGAAAGAACTTGAACCTCGCTGGATATCAGTACCTTGGTGGACCGGAGGATGGTGGTAAGAAA
ATAGAATAAAGCCGGGATTTCTGATGGAGCACGATGAGGATGTGGGAGCTGTTGTGGTTGGATTTGATCGA
TACTTTAACTACTACAAAGTGCAGTATGGAACACTCTGCATACGAGAAAATCCTGGCTGCCTCTTCATTGCAAC
TAATCGTGATGCTGTCACTCATCTGACAGATGCGCAAGAGTGGGCAGGTGGTGGTTCAATGGTTGGTGCTCTT
TGTGGATCGACCACACGTGAGCCATTAGTTGTTGGGAAGCCCTCAACTTTCATGATGGACTACTTAGCAAACA
AGTTTGGGATTCAGAAGTCACAAATATGCATGGTTGGAGATAGATTAGATACCGATATTCTGTTTGGACAGAA
TGGTGGGTGCAAGACTCTTCTGTTTTATCAGGTGTTACAAGCTTGTCAACACTTCAAAGTCCCAACAACCTCCA
TTCAACCAGATTTCTACACCAACAAGATTTAGATTTCTCTCACCCAAAGCTGCCACTGTATGAGATGACCCAT
CATGTATAAGGCTATTTGTTTTCTTCTCAATTCCTGTAATGCAACCAATTATCACTTTCACAAATATTTGAAT
ACAGAATTATATGTGAAAAATGGGTTATGGATTGTAC

>trans_s_627 FJ362593|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L13A (RPL13aB) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTCCCCCGGGGAAAAGGGGGGGGTTTCCAAGGGGTTAAATTGGGGAAACCCCGGGTTTT
TCCCCCCCCCGGGTTTTAAAAAAGGGCCCCGGGGGGGGGTAATTAGACCCCTTTGGGGGAAATGGGG
GCCGGGGCCCCCCCCGGGGGGGGGGGTTTTTAAAAATTTTTGGGGGGGGGGGGGCCCTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTGGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTAATAAAAAAGATTGTTGTATGTTTTATCATTTCTCAAAAAAAATGTCATAAACAAA
CTGAAATATAATAACAAATAAGTAATCAAAACATTTTGCTTGGTTTAAAACAGGCATCGTGAATCTACTGGA
TATGCATAACAAAAATGTATCAAAAACCTTGACTTGACTTAGGAAATCTAGAAGCATAACAGAGATGTATCATGG
TCTACTAAAAAGAGATAAAAGTTTATAAAAATTAAGATGAAATCCCACTGCAACTCAATTCTCCAGTATCC
CTGATTCTGAGATCAAAATCACAAATCAGTATTTGATAGGAGCAATAACTTCAAGTTGGGGGCCAAGCTTCTC
CTCAGCAACCTTCTCGGCCTTAATCCTCAGCTATTTAACTGCTTCTTCTCTCATATGCAGCCTGGGATCTTTCC
TTTCTCTCCTCTCAAGTTCCTTGATGGTATCATAGTGGTTCATCCAACCTCCGAAGAGAGTCTGCCTAATAAG
CAATACTTATGTCCAGCTTGAAGCCTCAAGACCTTGAGGGCATCAGGGATGACCATCCTCTTCATCTTATCGTA
CGGAGGAGGAACACCCTCGTACGCCTTCAAACGGGGCAAGCGCCGCCGACCACGCTTAGTTTTATGGGGAAT
CATCCACGAATGGTGCGCCAAAGGATCTTAGCGGGAGCACGGAAGTGAATGGGTCCATGAGAAGGCTTGG
TGTTCAATCGCTTCTCAAGAAACGCATGTACTTCATTTTTTGGCGGACCAATCCACCGGAGATGCAATCTCCT
CGCACCGGACGACCACAACCTTTCTGACCATTGAGAAGCTCTTTGGCAATAATGGAAGAGAGCCTTCCCAACAT
GTGATGCCTGGCGTCAACGACGACGCGCTTAGCACAGATACCGGAACCGGACACCATCTTCTTAATGTTTGTCT
TGTGCAAAAGCCTCGAGCGGTACCGTCGA

>trans_s_628 XM_002887268|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

AGAGCGATGATTAAATGAAAAGAAGAAAGGGTGGATCGGAGCACGGGAGGAGGAGATGGAAGAATCAAG
ATTACAGTTAAGAGCTGGGAGACAGAGGAAAACCGGTGGTTGGTAATTGGAATTTGATAAAATTATTTGGAG
GACCACAATTCCAATTTGGGCAATTTGGAGTCAAAAAAGCATTTCTTTGTCTACCACCAAACCGCCGCTATCC
TTGTGCTTTCTTTACTCTTCTCTTCTTCTGCGTAGGCCTAGACGACGACGACGACGACGACGACTTG
GACTGAACAATAACTATGTGGCAAAGAACTTGCCACATCGCTCCGATGCCTCTCCTTTCTCTTCTTTCTCTC
TCCAAACTCAAAGGCAAAGCTGCGATTACGTGGACGATCACCACCACGCCGACCCGACGAAGAAGACGTT
GATGCTCATCACTTCTCTCGCCACACCCTTTCCAATTCCAAGTCCACTAATTACCCACACGGTCCACCCCTCTC
CATCTACCTCTTCTCCTCTCAAACGCCTTTCTGGGTGCGACCCTCCTATTACCTCCCCACGATTTCTCTGCCTT
GCCTTACGACGTTCTCATCAAAATCGCCGCTCTTCAATCTCCCTAATCTACGTGCTGCGTCTTTGTTTGTA
GGCTTGGTTCGAGGCCTTACAGCCTTTGAGGGAGGCTATGCTATTTCTCGATGGGGAAAGCGCTTTAAGCAT
GGCCGAGGTGGGGTTCGACCAATTCTGACAAGGCTCTTAATTCCTTTCTTAAGGGTGCCGCTCGTGGCTCCA
CCCTTGCTATGGTTGATGCCGACTTCTCTACTGGGAGATGGGCAGCAAATACGAGGCTATTGCCTTGTAACA
GAAGGCTGCCGACCTAGGCGATCCTTCTGCCAAGTGCAATTTAGGAATCTCCTTTTTGCATGCAAAACCGCCA
AATCCAAGTGAAGCTGTAAATGGTTGCGACAAGCATCCATGGTTGGCAACGTTGAGCTCAATACCAACTTG
CTCTGTGTCTACAGCAGGGTAATGGGGTGGATCGGAATGTACAGGAAGCTGTGGTTTTTCAAAGCCGCTGAA
GGGGGATATGTGCGTGCCATGTGCAATCTTCTCTGTGCTATTCTTGCGGTGAAGGCTTGGTACACAACCATC
AGCAGGCTAAGAAGTGGATGAAGCGGGCAGCTGATCGTGGTCATAGTAAAGCTCAATTTGAGCATGGACTCC
ATCTCTTTTCTGAAAGAGACATGATGAAAGCTGTAGTCTAC

>trans_s_629 NM_120408|Arabidopsis thaliana ADK2 (ADENOSINE KINASE 2); adenosine kinase/
copper ion binding / kinase (ADK2) mRNA, complete cds

TAACAGGGACTCTCCTCTCTTCTCAGTGACCTTCAAACCTGCATTTATTCGCCTCTCTTCTTCTCCGTTAACCCGT
TCACTCTTCTTTCTTTCTTTCTCTCCTTATTCACCTTCTAAATCTTCTCTAATGGCGTACGAGAAGATCATTTTG

GGAATGGGCAATCCCCTGCTCGACATCTCCGCCGTCGTCGACGACGCTTTCTTGCGAGAAATATGATATCAAGTT
AAACAATGCTATCCTTGCCGAAGAGAAGCATTGCGGATGTACGAGGAAATGGCTGCTAAAGATAACGTGGA
ATATATTGCAGGAGGTGCCACTCAGAATCCATTAAAGTTGCTCAGTGGATGCTTCAAATTCCTGGTGCTACTA
GTTACATCGGTTCCATTGGAAAAGGACAAATTTGGGGAGGAAATGAAGAAAACTCAAAGCTTGCCGGTGTCA
ATGTACAATATTATGAGGATGAACTACTCCCACTGGTACATGTGCCGTCTGTGTTGTAGGTGGTGAGAGGTC
ACTTGTTGCTAACTTGTGAGCCGCAAACTGTTACAAAAGTGAAGCGACCTGAAAAGTGGGCACTT
GTGGAGCAGGCAAAAATACTTCTATATTGCTGGATTTTTCTTGACGGTTTCCCAGAAATCCATCCAAGTCTGTC
TGCTCATGCTGCCGCAACAACAAGGTCTTCAGCATGAATCTTCTGCTCCTTTCATTGTGAATTCTTCAGAGA
TGTGCAGGAGAAAGCTCTGCCGTACATGGATTATGTGTTTGAAACGAAACAGAAGCAAGAACCTTCTCTAA
AGTTCATGGATGGGAGACCGACAATATTGAGGAGATTGCCATAAAGATTTCCAGTGGCCAAAAGCATCAGG
AACACGCAAGAGAATCACCGTCATCACTCAAGGTGCTGATCCTGTGGTGGTTGCTGAAGATGGGAAGGCAAA
ATTATCCCTGTTATTTTATTGCCTAAGGAGAAGTTGGTTGACACCAATGGGGCAGGAGATGCATTTGTTGGG
GGATTCTTATCTCAACTGGTTCAAGAGAAGCCCATTGAAGACTGTGTGAAAGCTGGTTGCTATGCATCTAATG
TGATAATCCAAAGTCCGGCTGCACATACCCGAGAAACCCGACTTCAATTAGACAGCTTTGGTATAATGCAA
GATTATCAAATCCTTCCCTCCATGCTAGAGCAGCAGCAATTTTACCTCATCCTCTCCAATACTTTAATTATGG
AAAGTCTCCATCCATATATTCACTTCTAAATCCATC

>trans_s_630 XM_002864257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium ion binding protein, mRNA

ACCATTTCAATTCACGCTGGTGGGGGGTTTTGTTAATTTACATCCGGACTCAGGAAGATCAAGAAGAATGAGA
AGAGATAAGAAGATGAAAGGAAGAATTTCTATGATTGGGAGTTATGCCATTGCATCCTCCATCAAAGACCACC
ACCATCAACGCCCTTCCATTACCTGCACCACCTTTAATATTCTCGCTCCCATTTACAACCGTCTCAATCAACAGG
ATCCCAGTTGTCGCGAAAGCGATTACAGGACATACTGGCTAGCCAGAAATCAGAGAATTCTGGATTAGCTCTT
GTATGAGAAATCTTCCATTATCTGCCTTCAGGAATTCTGGGTTGGAACCAAGAAGCTTGTAATATATATGAAA
ACAGACTTGGAACGCCGTTATATCAATTTCAAGCTTGCTCGGACAAACAACCGCGGCGATGGTTTGTTGAC
TGCGGTGCATAAGGATTATTTAGAGTGGTGAAGTACCGAGAACTACTATTTAACGATTGTGGAGACCGCGTC
GCGCAACTATTACACGTTGAAGTACGAGTTCCATTTCCCATTTGCCGAAACAATGATATTCGTGAGGAAATCT
CATCGTCAACACTCACTTGTTATTTTCTCACGATTCTAGTCTTTGTCTTGTCCGTTTGAATCAGGTATACAAAATT
CTGCAATACGTTGAATCTTATCAGAAAGAAAACAACTCAATCCCATGCCATCATACTTTGCGGTGACTGGAA
TGGAAGCAAACGTGGACATGTGTACAAGTTTCTTAGGTCGCAGGGGTTTGATCCTCATATGACACAGCTCAT
CAATACACAGATGCAGATTCACGCAAGTGGGTGAGTCACCGCAATCATCGGGGAAACATTTGTGGGGTTGAC
TTCATATGGCTTTTAAATCCAAACGGATACAGAAAATTGCTAAAAACAAGCTGGAGTGAGGCTATTTTTGGCA
TGTTCAAGTATCTGCTCCGAAGAGCTTCACTGACAGAAGATGATGCATTTGCCTTTCTGAAGGCGGACAATGA
TGGTGACTATATAACCTACTCTGGTTTCTGTGAGGGACTTCGACAGCTCAATTTGACCGGACATCTCCATGGCC
TTAGTGTTGAAGAGATAAACGACTTGTGGGTACAAGCAGATAGGGATGGAAATCGATTCTTGATCATAATG
AATTCAGAGAATTTGGAATCCACGGGGACAGAGGAGAGGGATGAAAAAAGCAACGATGTTGAACCAAAG
GAAAATCAAGAGCAAACGATTGGTTTTAGTGTTGAAAATGC

>trans_s_631 NM_001056067|Oryza sativa Japonica Group Os03g0244000 (Os03g0244000)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTGATGATGATGACGACAGGCAGTTGGATGAGTGGTGGGTCCGTAGTA
GAGCAGAGGCAGCCAGTAACGGATATCCAAATCCTGGAATGCGTGGTGAAGCTTTGTAGCTTTGAAACAAA
CCACAGCTTCAAGTGTTTTCTTTAGGAATTGGGACTGAGACTGACTTTCTTTTCTTTCTGATTCGGAGCTCTCA
CAAGCAAAGGAATCGAGTCCAAGGAATTCAGAAATGACAGTAGCACCTTCGCTTTCCCGCCTCCATTCTCCATT
TCTGTATTGTCTTCTCAAGCCAACCTCATCTACCTCTTATCAGTCACATTCTCTGGAAATCAACGATCGCCACCA

TCATATCCACGCATCAGAGCAATAGATCTTGACCAAACATGGTTCCTTATTTGTCTAATCTCGTGATTTTTTCAT
TCAAATAGTATTCTGGCTAACTTATTCTTTCCCAATTGAAAATGAAGAAAGAAGTACCTTTTGTTCAGGTGG
TGGCACTTTCAGTTGGGCTGGTGAGTGTTCAGTTGGAATAGGTATTCCCGTCTTCTACGAAACCCAAATTGA
TAATGCTGTAAGAGTTCTTCACCTGTTCTTCAAGTCTATGCCAGTAACTTGGGTTTTCGTTCATTTCCAGCTCA
TAATCCATGTGTTTGTGTTGTAGGCCAAAGCGTGAAAATACTCAGCCCTGCTTTCCTGTAGTGGTTCAGGAGC
ACGTAAGTTAATTTCCGGTGTTCAGAGTATATCTTTGTTTCATGAAATGATTGAGGATATAGTTCTCCATCGTT
CTAAATTGTAGCACGGGGAATTCTCTCGTCTTCTCCAATAGTATTATATCCTTTGGTGTTCGAAAACAAAACT
ACTTTTTTCATAACACATTACAAGGATGAGATTGTATAACTTAGAATGGTCAAGTAGTCACATTTGATATATAC
AGTTATTCGCATGAAATTTTGAGTTTGTGTCCTCACTACATAAACTGATCCGTTGCTTAATCTGTAAAATTTTA
AATAATGCCACATAGATTGAACGGGAGCTTTCACTCCAAATTATGTAACTTAAACCTCGAAATGTAGTAA
ATAAAATATGAAATGTGATTATCTAGAAAGGAGCTCTTCTAGGACAAAATGCATATTCATATTTACTATTTAG
AAACAAATGAATGGCGAGTGGGTTGTATTGTGAACTACAAACCCTAGGTCGGAAATGAATAATTCGTCCAC
AGAGAGATGCAGATTTTGCATGGGAA

>trans_s_632 AF359387|Arabidopsis thaliana CIA2 (CIA2) mRNA, complete cds

ACCAAAACAAGACGACCCAAATTCCTCAGTCTCCGATTACAGTTAACTTCCCCCAAATTACCACCGATGATCCA
CCACCCACCACCGCCACCGCCACCCCTCCGCCTCAGAAACAGCTAACTCTGTTTCCCCTGCATCCAGAGAATC
TACAAGTAGAAGACAGAGAAGACGACGTCGCCTTCATCTTCGAAAACGACGATGTCGTAAGTAGCAGCTGCT
GCAGCTTACAAAGTTTTCTCCCAAGTTACCAAAACGAGATGTCATCGGAGGAAGAGTCTCGGAATTTGGCGGA
GGAGGCAGAGCTTGTACGGACGGCGATGAGGAACAGAGAAAGGCCGGAACAGGTGGAGGAGAAAATGGG
TTTGCTATTCGGAAGTGGTGGAGAAGAAGGAGGAGGAAGTGACGAGTACGGCGGCGGATGAGTGGGTAA
GAAGATTAAGACGATGAAGAAGAAGAAGAAAAAGAAGATTAAGATGGAGATGATTGGGAAACAGTTATGGT
TGAAGCTTGATTATGAAGGGATATTGAATGCTTGGCCTGATAAAGCTCCTTTGTTTCATCAATGGAGAATCACCT
CAGACCGTTCTGATCTTCATGATGATCCATATCTCTGCTCTGATTCTCTTCTTAGTAGAAATGTGATGGATGGA
ATAGGAAGTGAAGGGCATAACAGTAGTAACAATAATTATAATAATAATAGTAGTAGTAATGTATGGAAAGTC
CCAGAAATTGGAATATTGAAGAAAGAAGGATTAATGTTAGAAGGAAAAGAAGGATGGAAAATGGGACAAAG
AGAGGCAAGTGTGTTTGTAGATATAAAGAAAAAAGGCCAAAGCCGTCTTTTCTCAAACGTATTCGCTATGAAGTC
AGAAAACCTCAATGCCGAAAAGCGTCCTAGAATGAAGGGTCGTTTTGTGAAAAGAAGTTGAGAATGTGAAGAA
ACACTCCATTTTGGACAGAAGGGCATTCCAGGAAATGCAGCAACGTAGTGTTCTCTTTTCTCTTTTAAATAAT
TTTATTGTTTCTCTTTTTCTCTACTTTTATAGATAATGTTGTACTAATAAAATATGAAGTGTTAAATAAAAAAC
ATTGGTTTAGGGAGAAAAAAGGAAAAAAGTTCATGCTTGTCCATTAACAAGTAATGAAATGAGTG
GTGTGTCGATCATCACATTATGTGGTTTCCAATTCCATTAACATTGATAATTAGACATCAACTGATATATTATG
ATGTCATAAAATATTAATTATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_633 DQ665867|Boehmeria nivea caffeic acid O-methyltransferase (COMT) mRNA,
complete cds

ACAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAACAATGTCGTGGGCGGTGAGCGATGATGAGGAAGAAGCCCA
GCTATTCGCCATGCAACTGGCTAGCGCATCGGTGCTTCCGATGGTGCTGAAGACGGCGATTGAGCTGGATTTG
CTGGAGATCATTGGGAGAGGCGGGGAGGGGGCTCTGTTATCCCCGTCCCAAATCGCTTCCCACTATCTGGG
CTTAAAAACCCTGAGGCCACGTGATGCTTGACCGCATGTTGCGCCTGCTGGCCAGCTACTCCATCCTCACTTG
CTCTCTCAATCCCCTCCCCGATGGCTCCCTCCAGAGGCTTTACGGTCTCGCCCCTGTCTCCAAGTTCTTGATCAA
GAATCAAGACGGCGTCTCTATTGCCCTCTTGTCTCATGAATCAAGACAAGGTCCTCATGGAGAGCTGGTAC
CATTTGAAAGATGCTGTGCTCGAAGGAGGGATTCTTTCAACAGAGCCTACGGAATAAGTGCCTTCGAATACC
ACGGAACAGATCCCAGATTCAACAAGGTGTTTAAACAAGGAATGTCCGACCATTCCACCATTACCATGAAGAA

GATTCTGGAGACCTACAAAGGGTTTGAAGGCCTTAATTCTGTGGTGGATGTCGGGGGAGGCACCGGAGCCGT
ACTCAACATGATTGTTTCCAAGTACCCCTCTATTAGAGGAATCAACTTCGACCTCCCTCATGTCATTGAGGATGC
CCCTCCCTACCCAGGCGTGGAACATGTTGGGGGTGACATGTTTGTGACGCTTCCAAAGGGGGATGCCATTTTC
ATGAAGTGGATCTGCCACGATTGGAGCGACCACCTGCCTCAAATTCTTGAAGAATTGCTACGATGCGTTGC
CGGAGCACGGCAAGGTGATTGTGGCTGAATGCATTCTCCCGTAGCACCCGACGCCAGCCTCGCCACCAAAG
GAGTCATTACATCGACCTCATAATGCTGGCTCACAACCCCGGAGGCAAAGAAAGGACCGAGAAAGAGTTTC
AAGCCTTGTCGAAAGCTGCAGGATTTCTTGGTTTTAAGGTCCACTGCTGTGCTTTTAACACTTATGTCATGGAA
TTTCTCAAGACACCTTAGATTTATTACTTCCGCCCTCTCCCATGCATTATGGGGTTTTTCTTTTCTATCAATAAT
GCACCTTTTGTGGCCATATACATTGGAGTTTTCCAGCATTATATCATATTTTTACGAAGGTTGCCTTGTTGGAA
ATTGGAATTTAATCATTAAATAGCACCTCATTATTACCTCTT

>trans_s_634 Y10036|C.sativus mRNA for SNF1-related protein kinase

AGCTGTGGTGTGATTTTGTACGCTCTTCTATGTGGCACTCTTCCTTTTGACGATGAAAACATTCCCAACCTATTC
AAGAAAATAAAGGGTGGAATCTATACACTTCCAAGTCATTTATCATCTGGTGCTAGAGAACTGATTCCTAGTAT
GCTGGTGGTTGACCCAATGAAGCGCATCACGATCCCCGAGATTGCCAGCACCCATGGTTTCAGGCTCATCTT
CCACGCTATTTGGCCGTGCCTCCACCTGATACAATGCAACAGGCAAAAAAGATTGATGAAGACATTCTTCAG
GAGGTTGTAAAGATGGGATTTGACAGGAACCAGCTGGTGGAGTCTCTTCGTAACCGAATTCAAATGAGGCT
ACTGTTGCTTATTATTTGTTGCTGGACAACCGGTTCCGTGTTTTCTAGTGGCTATCTTGGAGCTGAGTTTCAGGA
GACTATGGAACTGGATTCAACCGTATGCACCCTGGTGATCCTACAAATCCTGCTGTAGGACACCGTCTTCCTG
GATATATGGATTATCAAGGAATGGGCTTAAGGTCACAGTTTCCTGTTGAGAGGAAGTGGGCTCTGGGATTAC
AGTCTCGAGCTCATCTCGTGAAATTATGACTGAAGTTCTTAAGGCCCTACGGGAGCTTAATGTGGCTTGAA
GAAGATTGGGCACTACAATATGAAATGTAGATGGCTACCTGGAATTCAGGCCATCATGAAGGCATGATCAA
CAACCCTGTGCATAGTAATCATTACTTTGGGGACGAGTCTACCATCATTGAAAACGACGGCGTTGTAAATCG
CCGAATGTTATTAAGTTGGAAGTACAGCTGTACAAAACACGCGAAGAGAAGTATTTGCTTGATCTACAGAGGG
TTCAAGGCCCCCAGTTTCTTTTCTGGATCTTTGTGCTGCCTTCCTTGCCAGCTTCGAGTCCTCTAAAAAGCAC
ATAATTTCAACTCATGAGATGATGAGCTTGTAATGAAGATTTACATGCATAACTTATTTATCATCTTACAGA
ATCTTAGTTCTTCTCCCTCTTTAGATGGATAGTTCAGTCTTGTAATCTGATTTTCGGTAGTAGAAGTTGTC
GATCTCGGCATCCAATATTGATTGGTGATGCCGTTACCTTGCCCCTCTTCATTACCAACAAAAGGAAAAAA
AAATCTATTTAACTTCTTATGAAGTGTTGTAATTTAAAGACATTCTCTCGTGTTTCATATCTCTTCGCTTGCCGT
TACAAAAA

>trans_s_635 NM_001050946|Oryza sativa Japonica Group Os01g0775600 (Os01g0775600)
mRNA, complete cds

ATTTTCATTTTCGTACCGCGCAAGTCCAAGACGAAGAGGGCCGATTTGAGAGATCGAACTCCATGAAACTTCT
TCCTCCTCATCGCAACGCCACTCCCGAATCGTACTCCTCTCCTTCTCCTCCGCCTCCGCTCTCTTAAGCTT
CTCAATCACTTCAACTCCTTTATTTCTCGCCGGCCGACGACCAATCATGGACGTCGATCCTCGCCACTACGACA
ACATCGCTGTGAACGATGGTGATATCCAGAACATTGTTCTATCGTACCTTGTTATAATTGTTATAAAGAACT
GCAGAGTCGTTCACTACCTGTACTGGGCTTAAGCAGCACACGGATTATCTCGTCGACATGGCAAAAAGAAAA
GAATTTATGATTTTGCAGTAGAAGGGAATGCACTTAAGGCCATTGAGTTAACGGAGGAGGTGGCACCTGGTC
TACTTGAGAAGAATGAGGACCTTCATTTTGATCTTTAAGCCTTCATTTTGTTGAAGTTGTTGCTCAAGGAAAT
GCACAGAGGCCCTGGAATTTGCTCAGGTCAAGCTTGCTCCTTTGGGAAGTTGCATAAATACGTGGAAAACT
TGAAGATTTATGACCCTCCTTGCTATGAAGAACCAGAGAAGTCTCCAATGTTTCATCTGCTTAGCGTGGATT
ACCGGCAAAGAGTAGCAGAAAGTCTAAATCGAGCAATTCTGCACATGGAAATTTGCCGAGCTATACAGCAAT
GGAAAGGCTGATAAAGCAGGTGACTGTAGTTAGACAGTCCTTGAGCCAAGAGCTGGGCAAGGATGGGTTTC

AATCATTTTCTTTGAGGGATTTTCTGAAAAGCTGATCCAAAGAGTTCGCTTAGGCTTACAGCACTGAGATACAA
CCAGCTCCAAATCTTGTTGCCACCATGGCTGGGTATGGAAGATTGTTGCTCTTTCACATGCCTTCGGTGCCTT
GTAGGCCAAAAACCGAGTCATCTAGGTCCCTCGAGCAAAAGTTCGTTTCTTTTCAGTTTGGTGACCTCGTTGTG
CCAGTGGCTTGCTTGATTGTGATTGTACATGCTGTCTCTAATTTTGTGCTTGCCTATTTTCCCCCTTTTTTAT
TTTTCAAATTTTAAATGTATGGAGAAATTGGCTAACATTATTTTGTCTCATAGTCATGGTACGGTTTTGGCACG
GAGGAACTCTACTTTGTTGGTATCTGCGATATGGTCGGATGTGAGCTTTGTTTGTCAATGTATCTAAGGAGCA
ATATTTGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_636 GQ303359|Arabidopsis thaliana ureidoglycine aminohydrolase (ylbA) mRNA,
complete cds

ACTTCCAGTTCGATCATCGTTCAACAAATTGAATCAGAATCCAAAGATAATAATCCTATCTCTTTCGATATGTGG
AGCTTCTCAACATATCCCATGGACCATCTCTCCTCATTCTCTTCACTACTTCAAGTTTGCTCGGATTTGCTTTTG
GTGGAGAAGGGTTTTGTTCTGCACCATCTATTGTGCGACTCGGATGCTGATTGGAAGGCTTTGTATTACAAAGT
GACCAATCCTACTCTTTCACCTTCTCATCTGCAAGACTTACCTGGCTTCACACGAAGTGTTACAAAAGGGATC
ATGCCTTGATAACCCCAGAAAGTCAGGTGTTTAGTCCTCTACCAGATTGGACTAATACATTGGGTGCATATTTA
ATCACACCGGCCATTGGTTCACATTTTGTGATGTATCTTGCTCAGATGAAAGAAAAATCTAAATCAGGATTGCC
CCCTACCGATGTTGAGAGGTTTTATTTGTCATTCAAGGAGCAGCGAAACTTACCAATTCGTCTGGCATTACTG
AAAAACTCACAGTCGATTCAATTTGCTTATCTACCTCCAAATTTGATCATTCCGTCATGTCTGACTCTCCGCTAC
ACTTGTGGTATTTGAGAGAAGGTATGCTTCTCTAGTGGATCATCACACTAAGCAGATTGTTGGCTCAACAGAC
AAGCAACCCCTCCGTGAAACTCCTGGTGAGGTCTTTCACTTAGGAAGCTCCTTCCCATGTCCATGCCTTATGA
CTTCAACGTCCACATCATGGATTTGGAACCTGGAGAATTTCTTAATGTGAAGGAGGTTCAATATAATCAGCATG
GTTTGTGCTCTTAGAGGGTCAGGGTATTTATCGTTTGGGCGACTGCTGGGACCCTGTTCAATCTGGTGATGC
CATTTGGATGGCTCCCTTTGTACCACAATGGTATGCTGCGCTTGGGAAAAACACGAAGTCGCTATCTGCTGTACA
AGGATATGAACCGAAACCCACTTGATCACAAGTAATATGCTGTTGCAACCTATCATATTTCTATGTGGTAGGA
TTTAATTTAGATCGTTCAAATGAAAGTAGTGCATGTCACTTTGTAGACCCCTTGGTCGTTTGTATTTGGAATA
ACATAATACACTGCAATTTACAATCCACTTAGTTTACTTTCTAGATTTATTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_637 AY045587|Arabidopsis thaliana At1g12310/F5O11_2 mRNA, complete cds

ATATCCTTCATTATTTTCAATATTTTAAATCTAAAGATAAAAGAGAGAGAGACACACAAATAATAATAAT
TAATTAGTTAATTTTAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAACATTTCTCCCATTCCTCAGGTGAGCGTCAAA
GGGCAAAGGAAAAGAGAGAAAAGAGAGAAATTAGAGCTCTTTGAAGATTCAAACCTAAATCGAAACCGGAG
ATGGGGAAAGATCTGAGCGATGATCAGAAATCCTCCATGAGGGAGGCCTTACCCTCTTCGATACCGACGGC
GATGGCCGGATCGCACCATCCGAGCTCGGTATTCTAATGCGTTCCTCGGCGGAACCCCACTCAAGCCCAAC
TCAAAGCCATTATCGCCGAGGAGAATCTCACTTCTCTTTTGATTTCAATCGCTTTCTTGATATCATGTCCAAGC
ACATGAAACCTGAGCCCTTCGATCGCCAGCTTCGCGATGCCTTTAAGGTTCTCGATAAGGACAATACCGGCTTT
GTCCGTGTGTCCGAGCTCCGACACATTTTGACGAGTATAGGTGAGAAGCTTGAGCCCTCCGAGTTCGATGAGT
GGATTGAGAAAGTTGAGGTTGGATCCGATGGAAGTATTCGGTATGAGGATTTCAATTGCTCGAATGGTGGCTA
AATGAGAAGGGAAGTAATAATGCAAAATTGGTTTTCTGTGCTTTTACTCTAATGGATTTCTTAAGTAATTTGTG
GTGATCTTTGTTGTTGTTCTTTTCTTTCTTTTCCCCCTTTTCCAATTTCTGTTAATTGGTTTCAGATTACAAGA
CTTGGTTGGATTTTGGTGGGATGGATGCGGTTGATGTTGCGCATACTTCCCAAGTAATGCTAATATTATTTGGA
AAGATTTAGGATTATGAATGAGTTGTGTCTGGATGGATTTTCGAGGTGTATTGAAACTGTGGTTTTCTGGGTA
ACTTAGAATTTGGTGATTGTATGTGTTTCTAGTTTGAAGTGCCAAACAAATGAGTAGATTCTCCACGATT

TATTGTCTTGCAATGGCTGATATGTCTTGGGTGTCTCTAAGTTAGAGAGATTGAAATGGTTTCTTTGTTTATCTT
GTAAGATTTGAACAATTAATTAATCTTCTTCTTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCC
CCCCCCCCAAACCTTTTCAATCCCCCCCACCCCCG

>trans_s_638 XM_002891220|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin interaction motif-
containing protein, mRNA

AATGCTGTAATAGCAACTTTAAGTGTGCCTGGAAACAGCGTTGTAGGATCTGGACACATAGCAGAAAATGAG
ACAAATGCATTTGAAGGTCTTTCAATAGAATCAGGCTTGATTTGCAGAAAGTGCTGAGAGTCACCACATGCA
CATCAAAGGAAAGTGATTACAGAGGCTCAGTGCAGCTCTTCTGTCTTCCAGAGTCGTATGGGTGCCTTGCT
GTTCTGATTTCTGCTTTACTTTACGAGGACTGGATATGGTACAAGCTGACAGGGATGATCCAAGCCTCCCTC
TTGTCACTGCTCCATTTGGTCATGCTTCACAGGAGATTGTGAACCTGCTGCTTTGTGGACAAGCCGTTCCAAAT
GTGTTTGATGGAAAGATGGACTTAGGTGGTGGGAATGTCCCTAAAAGGCATATCAAAAAGTGTTGGAAGTTGGA
TTCCTAACTCTGTTGGAATCTCTCAATTTCTGTAAGGTTGGCCAATATCTTAAATGCCCAAAATGGCCAATATG
GGTGGTTGGAAGTGAGTCGCACTACACTGTTCTCTTCGCTTTTCGATACTTCTGTACAGGATGAGAATGAACTG
GAAGAAAGGGAGTCACAAATAAGGAAGGCATTTGATGGCCAAGACCAGAGTGGAAGGTGGTGGTTTCATCA
GTGTTGAAGGCTTTCATCAAGTTCTCAGGGAAGTCAATATCAAACCTTCAACCCGAGAACTTGATCATCTTTGC
AGTACAGGATTTATTGTCTGGAGTGAATTCTGGCAGGCAATTCTGGAGTTGGACAAAACTTTGGAGGCCTAA
AGGATTCAACCGGATTGATGGGTAAAAAGTGTGTTGATCTTTATCACTTTAACGGGATTGCCAAGTCTGATTTA
AATGGAAACCAAATAGCCTGTGGAGGTGAGACTCCTATTCAAAGACCCAGGCTGACTAAATTGAAAGTTTCG
GTTCCACCACGGTGGACTCCAGAGGAATTCATGGCAGATGTGCCTGTTTCTTCTGCTTCAGCAGGAAACGGAT
CTGCCAGTAAAGATGTTGAGGTTTCTAAACCGGAACCATCTCAACATGCCCCACTGGTCGATTGCATCAGAAC
ACGCTGGCCTCGAGCTGTTTGCAGCTGGGCTGGTGATCCTCCTAGTATAGTATGATTTTTTTTCTTCTTTTTTG
CTTTCATTGTGCACAATGCATGAATGTTGCGGCAAAAAGACGGGGAATTTCCATTGAAAGCACACAAATGG
GCATAATATGTATTATTATCTTTAGGCTGTTTGTGCACGA

>trans_s_639 XM_002869630|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata clp amino terminal domain-
containing protein, mRNA

AAGCTGCGCCCAATTCGGAGAGCAAGAAGCTCACGAAACGCCATAGCCATACCCAACCAAACTATCTTCCTT
CTCAGTAAATATCAACTCTGCTTTCATCCTCCTTCTAAATTGAGCTTTTCTAGTCTTCTAATGGCTGCTACTCGC
TTGAATTCTCTTTCGTTTTCCCAACTCCCATTATCCCTTCTTCTCAATCTAATTGCTATTCTTTAGAACACAAACC
TCTACTCTTTCCTTCAACCCCTAATCGAGCTGAAGCTCGCAATTAAGCGTTCTAATGCCACCCATCCCGTCTC
GAAGTTCACTCGCCGTGCCACCGCTGCAACTGTATCGTTTAGCCTCCCGGCTTCGAAACCCGAGGGCGTTTCCC
CCGAGAACTTCCTAAATGGTCAGCAAGAGCAATAAAGTCATTTGCAATGGCAGAATTGGAAGCAAGGAAAC
TCAAATATCCAAATACTGGCACAGAAGCTTTGCTAATGGGAATTTTGATTGAGGGAACGAGTACTGCTGCCAA
ATTCTTAAGGGCTAATGGAATTACACTTTTCAAAGTAAGGGAAGAACTGTAAAGCTACTTGAAAGTCTGAC
ATGTATTTCTTCAGTCCAGAGCATCCTCCATTGACTGAGCCTGCCAGAGGGCACTTGATTGGGCTGTTGCGG
AGAAGCTAAAGTCAGGCCAGTCTGGAGAAATAACTACAGGTCATTTGCTTCTTGGTATCTGGTCAGAGGAATC
AGCAGGTCGCAAGATCTTGCCACCCTTGCTTTGACGATGAGAAGGCAAAAAGAGATTACAAAACTGTGGA
CAAGGATGCAACTTTCAGTTATAAGTAGATGGATCATGTAGGAAGATGTGATGCGATTTTCATATTTTTGCGG
ATGGAATCCTTAAAAAGGACCCCCCAATGAGATTCACATGATTTGGATCCTTGTGCATCCATTTGGTGATAT
AGTGAATTGCCCGTTAATCAGCACCTGCCGTTCAACATTATCAGCTTCATTTGAATTGACTATTGTTGCAACT
TGTTGAGTGCTGGTATGGTACGCTACATTTAGTGGTCTCAGGAGTGTTCCCGGCTTTTCTTGGACAAGCAAC
CTAAGTTGAAAGGGAATAATTACCTCAATAATTAACACATCCCATTCTTAATTTAGTATTTGCAAGACATCCTCA

ATTACTTTTCAATTTGTTTAATATTTTATCTTTGTTTCTTTAATTCTTCTTAATATATGGGGTTTTGCTTGCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_640 BT024491|Arabidopsis thaliana At3g15110 mRNA, complete cds

AGTGAACATTTTGGCGCAGTGAAGAAAAGTTCTTCTTCTTCCCCTATCCCATCTCCCATATTTGCAGACATA
GCATAGCAATCAATCCACCAAACCCCATACCCATATCCATCATCATCCATTAAACCTCCTCAAATGTGGCAC
ACCCAGAACCTTCTCTCTCCAATTTACCTCTTTTCACTCTCTCTCTCCAACCTACAATCATAAACTCTTCTCTC
TCCTCCAACAACCTCTCATCTCTTCATAGACCCATCACCTTCCATTCTATTTCTCCACTCACAACCCACCGTTGG
TTTTGTTTACCCCAATTCAGTACCTTGACAGATGCCACTTTTCTTGATGATAATGGCCCTGTTGAACTCCCGCCC
ACCATTTTTGCGACCACTGATAACCTTCTCTCTTCAAGTTGCTACCAGTGTCTTCTTACAGGGGCCATCTCC
GTCTTCTCTTTCTGTTCCCTCCGCCGCCGTGCTAAGCGGGTCAAAGAGCTGAAATTTAGATCTGCTGGAGTAAA
AAAGTCTCTGAAGGAGGAAGCAATGGACAGTTTGAAGCAATTAGTACAGGTCCAATTGCATCGAAGTCAAC
ACCTTCACCTATACAAGCATTCTTGGGAGCAATAGCAGCTGGTGTATTGCACTAATTTTATATAAATTCACCAC
TACCATTGAAGCTGCTCTGAACAGACAGACGGTGTCTGATAACTTCTCGGTTTCGACAACCTGACGATAACGATA
AGAACTATCGTGAACGGACTATGCTACCTTGCAACATTTGTTTTCGGAATTAATGCGATTGGTTTATTCCTTTAC
TCTGGTCAGTTGGCCATGAATTCTGTTATGGAAGAAGTTCCAAAGATAAAGAACCTAAAGCTAAAAGGGAT
GAGCAAGTTAGCCCGCCAACTTCAACAGCTGAAACGACCCTCAATAGCACTGAATCAAGCAACAGCAAGGAT
GATCAAAGTTCAAGTAATTTGTAGTAGTAGAAGAGAACCCTCTCTGATCAAACCTTTGGCTGTGTTGGCAGCCA
TTTGTAAGGTGATCTGCTCGGATTTAGTCATGCATTTTCATGTCATCTGTGATAATTATATTGGTAATTGTACCT
GCAAAAATATATTTCTGCTTTGCTAATAGCCTAACACAAAATCTTGGATGAACGATGTATAGAAGGTTGCATAC
CAATTTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATATTCCTA
GAGAGATTCAAATCACAAAACCTAC

>trans_s_641 NM_001070449|Oryza sativa Japonica Group Os09g0558900 (Os09g0558900)
mRNA, complete cds

ATCACCAGTTGGAAGGATGAGTATTCTCAATGGATAGTTGCGAGTCAGAGAAGTCTCCTTGAAGTTATGGTT
GAATTTCCATCTGCGAGGCCTCCACTCGGTGTCTTTTTGCGGCAGTTGCCCCACGCTTGACAGCCTAGATATTA
CTCTATATCGTCTTCTCCAAGGATGGCCCCATCTAGAATTCATGTAACCTGTGCATTGGTCTACGACAAAACAC
CAACTGGACGAATTCACAAAGGTGTATGCTCAACTTGATGAAGAATGCTATTTCACTGGAGGAGAGCCAAG
CATGCAGTTGGGCACCCATTTATGTTAGGCAATCGAACTTCAAGCTTCCACAGATTCTAAATTGCCATTATC
ATGATTGGTCCTGGAACGGGGTTGGCTCCTTTAGGGGGTTCTTGCAGGAAAGGTTAGCTCTGAAAGAATCT
GGTGTGTAATTAGGACACTCCATATTGTTCTTTGGGTGCAGGAACAGGAAAATGGATTACATCTACGAGGATG
AGCTGAACAACCTTTGTCGAAACTGGTGCACCTTCTGAGCTGATTGTTGCATTCTCACGTGAGGGGGCCCTCTAA
GGAATATGTGCAGCATAAAATGGTTGAAAAGGCGTCGGATATTTGGAATCTATTATCTCAAGGGGCTTACATT
TATGTTTGTGGTGATGCTAAGGGCATGGCCAGAGATGTCCACCGAACTCTTCATAACATTGTGCAAGAACAGG
GATCGCTTGACAGCTCCAAGGCTGAAAGTATGGTTAAAAATCTTCAAATGAGTGGCAGGTATCTCCGTGATGT
GTGGTAAAAACTTCCCATTCATAAGCTTTTGGAGGAATGAGGAAAATATGGAAAAGACAAAGTATTATTATTA
TTATTATTATCATATCTCCGTCAAGTGAATGAATTCTTAGAACAAAAAGGGAGGGCGCTCTTCCAGTGCTTAT
CGAAAGGAGCAAATTAAGGTCAGCTTTAACCTCTGCTCATTATTATGGCAGATAGATCTGTGAATCTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTCTCTTCTTCTTTCTTTTTTTTTTCCATCTCCTCTCTCCTTATACAAAAGGATTCTTTGTTGTAAT
TTATAGACCTAATAAGTATGATGAGTAGGACTAGTTCATGAACTCTTGATTTTCCCTGTAAGAGCCAACAAAGA
TGGTTCAAGTATCCACTCAAGACTCTTGTAATTCTCAGCTTATTATATATATACGCACAATATATTAGGGGCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_642 NM_179303|Arabidopsis thaliana ACLA-1; ATP citrate synthase (ACLA-1) mRNA, complete cds

AATTCATCAACTTCCATCCTCCTCCTACTTCTAATCCAAAGGCTTTGTAAAAATGGCTCGCAAGAAGATCAG
AGAATACGACTCTAAGAGATTGTTGAAGGAGCACTTCAAACGGATCTCTGGTAGAGAACTCCCCATCCAATCC
GCTCAAGTCACTGAATCAACTGATTTCAATGAGCTTGTTGAGAAGGAACCTTGGCTTTCTTCATCAAAATTGGT
CGTGAAGCCTGACATGTTGTTTGGAAAGCGTGGCAAAAGTGGTTTAGTCGCCTTAAATCTTGATCTGGCTCAG
GTTGCTGCATTTGTGAAAAGAGCGCCTTGGGAAAAGAGGTAACAATGGGTGGATGTAAGGGACCCATCACCACA
TTTATTGTGGAACCTTCATTCCGCACAAGGAAGAATACTATCTCAATATTGTCTCAGAGAGACTTGGGTGCAG
CATTAGCTTCTCGGAGTGTGGAGGAATTGAAATCGAAGAGAACTGGGATAAGGTTAAACCATATTTATCCCC
ACAGGAGTGTCCCTCACTTCGGAACATGCGCCGAGCTGGTGGCAACCTTCCTTTGGAGATCAAAGGAGAA
ATCGAGGAGTTTATCAAGGCAGTCTATACCCTATTCCAAGATCTGGACTTTACTTTCTTGGAATGAATCCTTAT
GCGATTGTTGATGAGAAGCCCTATCCTTTGGATATGAGGGGTGAACTAGATGATACTGCTGCTTTCAAGAACT
TCAAGAAGTGGGGAAGTATTGAATTTCCAATGCCATTTGGTAGGGTTATGAGTCCCACTGAGAGCTTTATCCA
TGGCCTAGACGAAAAGACAAGCGCATCTTTGAAATTCACAGTTTTGAACCCCAAGGGACGTATTTGGACCATG
GTGGCTGGAGGTGGTGCAGTGTCAATATGCAGACACGGTTGGAGATCTTGGTTATGCCTCTGAGCTCGGA
AACTATGCAGAATATAGTGGAGCGCCTAATGAGGAAGAGGTGTTGCAGTATGCCAGAGTTGTTATTGATTGT
GCAACTGCAGACCCCGATGGCCAAAAGAGAGCACTCGTGATTGGAGGAGGAATAGCGAACTTTACTGATGTA
GCTGCTACATTTAATGGCATAATTCGGGCTTGAAGGAGAAGGAATCAAGGCTAAAAGCAGCTAGGATGAGT
ATTTATGTGAGGAGAGGAGGCCCAACTACCAGAGAGGGCTTGCTAAGATGAGGGCAGTTGGTGAAGAACT
TGGTGTTCCAATTGAGCAGATACCCGGTCTCCACCAACGTCA

>trans_s_643 XM_002887909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

ACTCATTCCACCAATTTCTTCTCCTTCAAAAATGGCTTTCTCTACCTTCTCCAAAACAACCCTCATCCTCTCT
GCCACTTTATTTCATCACTTACGGTATCGCTCATGATTTTTCAATCGTAGGCTATTCCCCCGAGCACTTAGCCTCC
ATGGATAAAACCATCGAGCTGTTTGAGTCATGGATGTCAAAGCACAGTAAACGTATCGGAGTGTTGAAGAG
AAACTCCATAGATTTGAGATATTCCTCGACAATTTGAAGCACATTGATGAAACAAACAAGAAGGTTTCTAGCT
ATTGGCTGGGGTTGAATGAATTTGCAGACCTGAGCCATGAAGAATTCAAGAGTAAATATTTGGGATTGAGAG
TTGAGTTTCCGAGGAAACGATCGTCTCGTGGGTTTAGCTATAGAGATGTGGAGGACTTGCCCGAGTCGGTTG
ATTGGAGAACTAAAGGAGCTGTTACTCCTGTCAAGAACCAAGGCTCTTGCGGGAGTTGCTGGGCATTTTCAAC
CGTTGCGGCTGTGGAGGGGATAAACCAAAATTGTCCTGGAATCTAACCTCCTTGTCGAACAAGAATTGATC
GATTGTGACCGAAGCTTCAACAACGGGTGCTACGGTGGTTTGATGGATTATGCCTTCCAATACATAATGTCGA
ATTCCGGACTTCGAAAGGAAGAAGACTACCCATATCTAATGGAGGAAGGAAGATGTATCAGAGAAAAGGAA
CAATTTGAGGTAGTGACCATTAGCGGTTACGAAGATGTGCCAGCAAACGATGAACAGAGTCTCCTAAAAGCA
TTGAGTCACCAACCTGTCAAGTGTAGCCATTGAAGCTTCTGGTAGAAATTTCCAATTCTACAAAGGGGGGAATATT
CACAGGCCGTTGTGGAACCGAAATGGATCATGGCGTGACAGCCGTTGGGTATGGTTCATCAGAGGGGAACAG
ACTACATTATAGTAAAGAACTCATGGGGACCAAAAATGGGGAGAAAATGGATATATTAGGATGAAGAGAAATA
CAGGAAAACCTGAAGGACTATGTGGAATCAACCAAAATGGCTTCTTATCCAACCAAGAGAAATAATCCAATGA
AGTTAGCCCTCTAGTCTCTATGATTGTCATATTCTTTTTTCTTCCCACCAATTTCTTTCAAATCGATATGAAAG
GCAACTTTTATTACCTTTTAAACAATAAAAGGACCAAAATTTGTAATGGTTTGACATGAAATAAATTGCTACTCCTT
TCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_644 EU717680|Litchi chinensis PAE mRNA, complete cds

CAGACCCAATAAACGAATCAGCTCCCATTTTCCCCTTCTACGTTCGAAGATCCTTCAAAACCAAGAAAAATAA
AACCCATTTGATTCCCATAGCTGACTTTTCATCTTCACTTTCTGCTTGAGGAAGAAGATGGGGTGTGAAAAGT

TTGGGCTATGGCTATTTTTTGTGCTTCTGTACAGTTTTTCCTTAAAGCACAGTGTATTAATGTAGGGATTACTT
ATGTTCAAGATGCTGGTATCAAAGGAGCTGTTTGTGGATGGAAGTCCTCCAGCTTATCACTTCAGCGACGG
GTTTGGCTCGGGGATCAATAATTGGTTGATTCAACTCGAGGGAGGAGGCTGGTGCAACAATGTCACAACTTG
CCTCCAACGCAGGGACACTCGTTTAGGATCGTCTAAGAAAATGGTAACCCAGCTTGCAATTCTCGGGAATTTTG
AGCAATAAACCGCAGTTCAATCCAGATTTCTATAACTGGAACAGAATCAAGGTTGATACTGTGATGGATCTT
CTTTTACTGGAGACGTTGAAGCCGTTGATCCCGCTACCAATCTGCATTTAGAGGAGCAAGAGTTTTTCGTGCC
ATCATTGATAACCTACTCGCCAAGGGAATGAAGAATGCAAAAAACGCTATTCTCTCGGGTTGCTCAGCGGGTG
GATTAAGTTCCATTCTGCATTGTGATAACTTTAAATCTCTACTTCCTCCTACCACTAAAGTGAAGTGCCTCTCAG
ATGCAGGATACTTTATCAATGCGAAAGACGTCTCTGGAGCACAGCACATCGAAGGCTTCTACAGCGATGTAGT
TACCACCATGGTTCTGCCAAGAATTTGCCTATATCATGCACGTCAAAAATGAAACCTGAGATGTGTTTCTTTC
CTCAAAATGTGGTTCAGCTCATTGAGCTCCAATATTTCTTGAAATGCAGCTTATGATTGATGGCAGATAAAG
AATATATTGGCACCTGGTGTGCGGATCCACACGGTACTTGGCACGAATGCAAGTTCGACATCAAAAATGCT
CGCCGATTGAGCTTCGTATCATGCAGGACTTCAGGGTTGAGTTTTGAGTGCATTGACTGGGGTTGGAAGTTC
TTTATCAAGAGGATTGTTTCATAGATTCTTGCTATGCCCATTGCCAAACCGAAATGCAGGAGACGTGGTTACGA
TCGGACTCTCCATGCTGAGTAAGACGCCATTGCAAAGGCAGTTGGAGACTGGTTTTTCGACAGGGCTCCGT
TCCAGAAGATCGACTGTCCTTACCC

>trans_s_645 BT006285|Arabidopsis thaliana At4g27470 mRNA, complete cds

ATCTCTCTACAATTGTTCTTTCTCAAGGTCTCTCCGTCAAAATTTTCTTCTTTGATTTCTGTCGGAATTGCCGTA
CCAACCTTTGAGATTCTTATTTAACGAACGCATCACTCTTTCCATGGAACAAAATCTCTGTACCTGAGGCATA
CTTAGAGTCTGAACAAGATGTCTCTCTCAAGCAAACTGGAAATCTATCTCAACTGAGTCAACAATCTCAGAA
GACGCAAATGGTTGCTTCGATTGCAACATTTGCTTAGACTCAGCAGCTGACCCTGTTGTCACCCTCTGTGGTCA
CCTCTACTGCTGGCCGTGCATTTACAAATGGCTTCATGTTCAAAATCTCCAGCAACGAACCTGAGAACACCCAGA
ACTGCCCTGTTTGTAAGGCTAGCATTACTCCCTCCTCGTTGGTTCCCTCTATGGGCGTGGCACGTCAAACCTCA
GATTCTGAATCCAAGAAATCTCACTTGGGTATGGCTGTACCTCGAAGACCACCACCATCAATGAACACACCAC
CCCCTTCCAATTCATCCTCGGCATCGTATCCTAGCCAGGAGCTTCATTCAAATTATATCCGCTCACCCCTCACACC
CGATCTATCACCAACAATATTTCCCCAGGCCTACGGCAACTTTGCCTCATACGCACCATCTTATCTTGGTAATG
CCGTGATAACGAGTCTGCTAAACCAACGATTGGGATGTTTGGAGAAACAGTTTTCTACTAGAATATTTGGTAG
CGTGGATGGGAACCTATTGCCCTACCCGCCATACAACAACCTCAATCTCAGGAAATGCCAGTACGAGAATGAGA
AGACAGGAAATGCAGCTTGATAAATCTCTTAATAGAGTTTCATCTTTCTATTTTGCTGCTTTATTATATGTCTT
CTGTTATTTTGAAATTGGGAATAGATGTTATGTGGAGAAGCATATGATGATATACATACAGATAAGCAGCTAG
AATTTTGGTAGATGACTTCACACCGTGAGAAGTCATCTAATATGTACAGAAGGTTAAAGCTAATGTCACATATT
GTTTTGTAATTCCTTTGCTGCTTGCATGTTTATAATACTTCCCTACGTTTTCCACCCCTAGAAAGTCTAATAA
TTCATCATCTCCAAATGATATCAAGTCTAATCTGTTTTTCCACTAGACATTGGTATAAAAGTCATGTTACCATGT
GGTTGTACAATTTCAAACCTGAAAATAATTGAGTTGGGTTCAAGTTGTGTACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_646 D63331|Nicotiana tabacum mRNA for nitrilase, complete cds

GCTGAAGCTCAAGCTGAGAGAGAAAAAAAAAAAAAGGGAGATTCAAGCAGCAACCATGGCGCTTGTTACCAAC
CACGGCCCCCTACCGATCCCCAATTGATAGCGGAGGTTGACATGGGCACCGATTATCTGTAATGACTGTTGGA
GCCACCGTCGTTGAGGCTCCACCATCTTCTATGACACTCCCGCCACTCTAGACAAGGCTGAGAGGTTGTTGGC
TGAAGCTGCTGGATTGTTCCCTGCTAGTTGTATTTCCAGAAGCCTTTGTTGGTGGTTATCCTCGTGGATCAA
ACTTTGGTGTGTTCCATTGGGAATAGAACTCCTAAGGGGAAAGAGGAATTTGTAATATCATGCCGCAGCGAT
TGATGTACCTGGTCCTGAAGTTGATCGATTGGCAGCAATGGCTGGAAAGTATAGGGTTCATTGGTAATGGG

GGTGATAGAGAGAGATGGCTATACACTGTACTGTACTGTCCTATTTTTCGATCCTCAAGGTCGTTACTTGGGTA
AGCACAGGAAAGTGATGCCAACTGCATTGGAGCGAATAATCTGGGGCTTTGGTGATGGATCGACAATTCCTG
TGTTTGAACCTTCAATTGGAAAAGATAGGTGCTGCTATTTGTTGGGAAAACAGAATGCCACTCCTAAGAACAGC
TATGTATGCAAAAGGCATTGAAATATATTGTGCACCTACTGCTGATTCTCGGGATACATGGCAAGCATCAATG
ACCCACATTGCTTTGGAGGGTGGATGTTTTGTTTTGTCAGCCAACCAAGTTCTGCCGAAGAAAAGACTACCCACC
TCCACCAGAATATGTATTTTCTGGCACGAAAGAGGAACTGACCCCAGATTCTGTTGTTTGTGCTGGAGGTAGT
GCCATCATATCACCTTCAGGCACAATCCTAGCTGGACCCAATTACGATGGAGAGGGCACTTATTTAGCAGATCT
GGATCTTGGAGAAATAGCACGGGCAAAATTTGATTCGATGTGGTTGGTCACTATGCAAGGCCTGAAGTTCTT
AGCTTGGTTGTGAGGGATCATCTGCAATCCCGTTACTTTACATCTACATCTACAAAAGCCGAAGATTCTTG
TAAAAAGTAGTATGTATTATTCTTCCACACTTCTATTTAGTTCCATTAAATTGTTCTAGCCTACGTTTCGTTTCATGTT
TCACTGTTTCTCCGCGTTCAATGTTGTATTATATTCATACTAAGTAATTCAAACTGTGAATATTTCTGTGAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_647 BT010354|Arabidopsis thaliana At1g17820 mRNA, complete cds

TGCGCATGTTGCTCAGTTTTTGAACAATCGAATTAAGGCAGTGATAAGGGATACTTTAGTGCTCCCCAACAGT
GAAAGTATTTACATCCCATTTATGATGGCAGAGAAGGATGACTGGGTCCAAGGGATATTGCACCATTTATGT
GGCTTAACCAAGGAGCTTCTGACAATAAAGCTTCATGTGAAAATCAAAGCTCCCATCTGTTGAGGCCAAAAA
TAGATCTGAAGCCGCTAAAACCACCTCCACGGACCAACAGGGCATTGAGCACAAAAGACCTAAGAACGTTGA
ATCTTCTCAACCACACTCTGACCTGTCCAATGCATCAAAGCCTTCATCAAGTACTACTAATCCAGCTCGAGCTAT
AAAAAGACATTGGACGAAAATGAAATGAAAATCCCTTTATTAGAAAATGACCAAGCAGTTGAAAATTTCCAG
CAACGTAGTAGAGAGTATGCCCAAGAAAATCATTACCACCTAGGTCTATAAGCAGCTTATCATCTGGGCAGG
AAAATTATAACGCTGAAGAAGATGAAAAGCCAAAAAGAATAGGAAGAAGAGCTAGAATGTTAGAGATAGGG
AAGAAGATGGGGGAGAACTAGAAGAAAAGAGACGTAACATTGAAGAAAAGAGTAAGAATATTGTTGAGA
AAATGCGAGGACCATAGGCATAAATATTACGAAACATCGATATTTGAAGATGGGCAATAGAAAATGTGAATG
TGATTCAGAGTGCAAATGACGTTTCGTCTCTTTCAAACCCACAAATACTGAAGCAACTGGAGTACAAATTTTGC
AATCATTTTTTTCTTTCTCAATACTAGAGTTTGATTAGGTGGAGCTGAGGCAATTCAAATTGTATTGGTCCAGT
CTTGAGTATAGGAAATCCTAGATGTGATTTTTGTTTTACGAGTTAGATCGACATTTTTCTCTGTATAGATACAT
TACAGCCTAGTCCTCATGAACATTAGTTAGCCATAAGGTAAATCGAATAACTGGAGTTTATCAACACGTAAAG
TAATTTCTCTGTATTCATTAAGATATATACACACTGTTCTGAATACTAACGAACATACCTTCACAACTAGGTATGC
ACTAATTTACGAAGATGTTTCAAAATCTTCTGGAATGTTAATTTAATATTGAGATTGTTACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAGAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_648 EU373037|Gossypium hirsutum gland development related protein 46-like mRNA,
complete sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTGATCTCGCAAGAACATTGACTAGTGGCTACTTTTTTATTCTCTTTTCACTCAAATACATTGAAAACATA
GAGCAGGAATTTAGAGTTTGTAAAGAAGATTAAGAAGAGGTTGATAGTAATAGAGAAAAAAGGCTC
AAACACAAAAACAAATTACATAATTTCAACATCAACACTACTACCCTCGCTTTGATCATTGTGGATGGGTAA
GAAATACAATACACGATTTCAATGGTTACATATGTTACCTCTGCTATCATCCTCATTGATACCATCTCCTCCGT
GTCGCCAAGATGATGTTAGGTTTCTAGCTTTTCGATCCAGTTGCAGATTTTCCAGTGCAGCTGAGGTTCTCATT
ACATCTTCCGGAAGCTCATTGCCATCATATCTCCAAGTATTATCTTTTCGATAACCAGACATCGAAGACCCT
ACCCTCCTATCAGATGCCTGTGGACCAGCACTGGGCCTTCCTAGCGGAGGTAAACCCCTGCAACAGATGAGG
AAGGTCTCCTACTGTTTCGAGAATCATGACTGGACATTGAATCAGATTCTGAAGTGGTTATTCTTCTCCGGGA

CCCCTTGCTTGAGATAAATTCTCAAACCTCAAGAATCCCTCTAGAACATCCAAGAGCAACGGTCCACTATCTCC
ATTTCTGTTAAGATCATATCCGTTTTTACTACTAAATTCCTTCAATTCAGCTTTCCAAGAATCTTTTTGCATATTG
CACTCCGGGAGATAAACTTTTCAGAGTGTGGTTTAGCTGAGCCCAATCTAAATATTCACATATTAGAGCAGTAA
GTAGCCTCCCTGATGGTGAAGCATGAAGCTGCTTTGCTCGATCATTGCAACTGCCAAGTAATGCAGGTGGCAA
TCCATCATCTTTCTCGATAACACGATCCTCTTCTTCAATTGCCTCGAATACACTAGCTCTAAGTTCAGCACGGAT
CTTAGCGAGGACGCTCCCTCTCTCGAGAGTCCGAGTGACAAGGGTCTTCAAATCCATCATTCTCTGGTATAAT
CGTCCATGTTTGTGCAATCCTTCGGCCTTGGCTTCGCTGTGAGGAGAAGGAGCGTGAGAACATGAACTATGGA
GATGTGGGCATCAAATGGGGGAGCAGAGCAGAAGAAATGGGAGAAGATGAAAGCAAAGCTAAAGCAGAAA
AAGAAAGGAGA

>trans_s_649 NM_001052662|Oryza sativa Japonica Group Os02g0187200 (Os02g0187200)
mRNA, complete cds

CAAGTATTCTTAACGGGAACAAAACCTTTGGGTGGCGGATCCACTTTTTTTGTCACTTTGTCATGATGTTGGTGT
GAGAGCTTTCCGAAGGCTTTCCTTTTTCTATAAGAATGCAATTCGAGTTGTGTGCTCTCTAGCTGTGATG
TCGGATTCAATCCTCACAAGGATGTTGCTCTTCCCCAAGTGCTGCAGCCATCTGCTCTTCAGCTTGAGGAAA
CGATACAGAAAATAGGACAACCTAGGTTTCTGGGCAGGGCATCGGAACTCTAAAATTAGAGTCATACTAGCT
CGTGTGTGGGAGAATGATACAGAACTAGACATTTCAAACAACAGGATAAGCAGGGCCACTGGACATTTTATT
GTACCAGAAAAGATTTTTACAAGACAAAATTCTGCATATGCCAGGAGGTTCAAGTCAACAGTGCTCGAAT
AGCTGACTCAATCCACTATGGATGTGTTCCGGTGATATTTGTCAGAATTATTATGACCTTCCATTTCAATGACA
TTCTTTGATTTGGAGAAAATTTTTCGGTGATAGTTAAGGAACGTGATGTGTACCAATTGAAACAAATACTCAAG
GACATATCTGATATGGAGTTCATTAACTCCACAAAACCTTAATACAGGTTCAAAAGCATTTTCAGTGGAATTC
TCCCCAATCAAATATGATGCATTCCATATAGGTGATGTATGACTTATGGTTACGACACCATGTCATCAAATAT
TAATATGCTATAGTTACACATGATTTCTTCTACAAAATTTGTTTGTTAATTTCTCATTGTAAGAAAAAAATATT
TGTAACCAAACTATGTACATTCTCAATATTCTCAATTATCTCTTTGACGATATTTTCCCTTATTTCTTTTACATT
TGAAAGATATATATTTTTTTTTGTTTCATTTAGACTTTTATTACATGCTTATGAATTGATTTCTTTTGTTCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTATAAACCCCCC
CCCCCAGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCTTCCCCCAAGGGGGTAAAAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTT
TAAAACCCCGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTTTATCCCCTTGGAACACCCCCCTTCCCCGG
GGGGGGAAAAAACAAA

>trans_s_650 NM_123388|Arabidopsis thaliana nodulin MtN21 family protein (AT5G40240)
mRNA, complete cds

TTGGCTCCAACACCGGCTTCAAAGCCGCCACAGCTCGAGGCCTCAGCTACTATGTCTTCACCTCTACGTTTGC
ATCGTCGCCGCCGCCCTCATCCCTTTCGCCTTCTTCTCCATAAGTCGGCAGAGCTTCTCCCAACAAGATT
TCCTTCTTTTCCAGATCGCTTGCCTCTCTGCACTTGGGCTTCTTGTCAAGTTGCTTGGAACAAAGGACTTGAG
TATAGCTCACCGACTCTATCATCCGCCATTAGTAACTTAATTCCAGCTTTCATTTTCATGTTGGCTGTCTTTTAA
GGATGGAGAAGATAGATTTGAAAAGAAGCAGCAGCATAGTGAAAATAGTTGGGTCGGCAGTGTCATATCA
GGTGCTTTGGTAGTGGTTTTGTACAAAGGCCCAATTGTGATATCAAACCCATATTCTCCCCGCCCAAAACAATT
GGGCCTTCTCTATCAAATCCCCCTTGGACTCTTCACATTCTCAGCCCAATTGGATCATGGGCGGCCTTTGCTT
TGTCTTTCAGTACCTTTGCAATTCCTTTGGTACATTCTCAGACCCAAATCATAAAAATATACCCAGATGAGAT
AAGTGTGGTGGCAGTATATTATCTTATTCAAGCACTTTTGAAGTCCCCAATTTGTTTGATAGCAGAAACAGATA
TGAATGCTTGGAAGCTAACAAATCCACTCATTTTTCTTTTCATTTTCAACTCGGGTTTGATGGGGCAGTCTTTCG
TGGCTGCTATACACATGGGGACTAACTTGAAGGGCCCTGTTTACGTTTCTAGTTTTAGGCCATTGTCCATC

GCCACTGCTGCTGCTATGGGTGCCATTCTTCTTGGTGATGATCTTCATCTTGGAAGTATAATTGGAGCAATCAT
AATATCAATTGGATTTTATGGCATATTATGGGGAAAAGCAAAAGAAGAATTGAAAGGCTTAGAAAATGTTTGT
GGGTGGAATCTTCATCAAAAGCTCCATTGTTGCAATATTATAAACTTGAAGAAGCATAATTTTAACTTGAG
CATAAGTTGATGCCTTCAATTTCAATTCCATTATTCATTTGAACTATGAGTCTATATTTCAAAAAAAAAAAAAAT
AGTCTATGGTGGTGAACACATATTGGGAATTTATTCACATGCCCAAATATGTGAATGTAATTAATTATATAAAT
TCAATTTAGTTTGTCTAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_651 XM_002301167|Populus trichocarpa nbs-lrr resistance protein, mRNA

ATCTCAGAAGAATCTTCTTACGTTGGTGAAAGATGCACGCGGTGGTGACATTTATAGCAGTTATTATGAGATG
TATGTCACTCAACACGATGTCTTAAGGGACCTTGCCCTTCATTTCAAGTTGCCAGGAGAATGTAAATGACCGCAA
GCGATTACTGATGCCAAAAGCGACACACAGCTTCCAAAAGAATGGTTAAGGAAATCAGCACAGCCATTTAAT
GCCCAGCTTGTTTCAATTCACACAGGTGAAATGAAAGAAATGGATTGGACGCACATGATATTTCTGAAGCTA
AAGTGCTCATTCTAACTTCTCCTCGATTGGATACTTCTTGCCTTCTTTCTTTGCAACATGCCGAAGCTAAGAG
CATTAAATTGTGCTAAATAACAATGCAACACATGCAACTCTCTCCAATTTCTCAGTTTTTTCTAGTTTGGTCAACTT
GAGAGGCATCTGGCTGGAAAAAATTTCCATGACACAATCTCGATGCTTGTACGCCATTGAAACATCTAAGG
AAGATATCTCTTGTCTTCTGCAAGATTAACAACAGCCTTGACGAGTCAGCGGTACATCAGATCTTCCCGTTCCTT
TTCGAACTCAAAATTGATCACTGCAACGACTTGTTTAAGCTACCTTCAAGCATTGTGAGATGCAAAGTCTGAG
GTGTCTTAGTGTACCAACTGTCATAATCTCAGTCAACTCTTACCAACTTATGGAAGCTGAAAAATCTACAAA
TCTTGAGGCTTTTTGCTTGCCCACTTCTCACATCTTACCCCAAGCATTGTGTACTTTCTTGTCTAAAGTACAT
TGACATCTCCAATGTGTCTACTTAACCAGCCTTCTGAAGAATTCGGTAAGCTGACAAACCTAGAGAAAATTG
ACATGAGAGAATGCTCGCTCATAAGGAGACTACCTAGATCAGTTGTGTCTTTGCAATCTCTCTGTCATGTAATC
TGCGAAGAAGACGTCTCGTGGCTATGGGAGGATTTGAAGGGTCATATGCCTAATTTGTACATTCAAATCGCCG
AGAAATGCTTTGACTTAGATTGGCTCAACGAGTGACAGTCAACTTTGTTGTAATTGTTGGTTTTCTTTTATGTAC
ATTAACCTTCTCTATTCTCAAAAGTAAGCAATAATGCTAGTTCTTAGTGTTTTGAGCTCATCACGATCCATTCGT
CGATCCATCCATCGAATGGAGCTTAAATATCAAGGCTACTATTGTATTTTAGTCAAAAGAATAAAGTGTTAC
TCCATGGTTGGA

>trans_s_652 NM_127199|Arabidopsis thaliana metal ion binding (AT2G16460) mRNA, complete
cds

TTTTTAGTTGTTTGTATCATCGTCGGAGGAAAAGCTCAAGAATTTGAGGCGTCTTCTTCTTCCAATTCTTCC
CAATTTCTTTGTTTCCTCGCGAAGCAACCGCGAAATTTTACGCCGTTCTCTTTTTCACTATTGGTGGCTGGG
ATCATCTTCATCGCTGTTCTTCCCTACAAAAGGGTTCTTTTCTTTCATAATTTTCCCAATCCATTAGAAAATT
CCAACACGTTAGTTCTCAATCGATTTTCAACCCATTTTGACCGACTTTTCTCCGTATACAGGTTAGAAAATTG
GAAGGTCAAGGGGTGCCCTCAAATCAAGCTGAGGCAATTACAGCTGCCATTACTGAAGTGCTCAATGACAGC
TTGGAAAATATATCTCACTCGTTTGTTTCAAAGGGGGGAGATGCAGAAAATTGAAATGATCCAGGATTCAAATT
TGTCAAAATTCAAATCTGAAGTTCAAAGTTCACAGGGGCACCATTTTTCTTTATTGGGACATGAGACTGAAAAA
CTCCGAAATGATATTGAAAAGATGCGCAGTGAGCTGAGGTCTGTTTTACTGAACCTCAGTTTATAGTAAATGT
ATTCTAGCTTCAAATTTAGACATTAACCTGTACTCTCTTAAATTAATCTTATTTGTGCAAAGACCTTGACTACGA
TGTAGGTATGAAATTGACAAAGTCACTGCTGGACAGCGATTAGACTTGAATCTTGAAAGAGGGGAGGATTCCGG
GATGAGCTAGCTAATCAGAATGCTGAAACAACCAACCTAACTAACAACTTGATCGGGAAATTCATGGTCTGA
GGGCACAGCTAGAAGCGGCAAAATACGACGTAATAAAATACTGCATCGGAACGCTTGTTTCCATTTCTGCTGT
TGGTCTAGCTGTACTTCGCATCTTAATGTAAACATTTGAAGTCAGCTGAAGTTCTGATAGAGATTCAAAATCAT
AACTGGTTTAGGATTCATCCCGAATTCACAAGGTGACATTTATTTCTATTTTTTCTTTGACCATATTTTAGAG

AGGATTCTTGGAAGTTCAGCTACTTTCTCCGAGAGAGTTTCCATTTATTATTTTGATTTCTCATGGAAATGGATC
TCGACGTAGCCATTTGAATTGTACTTAATACTTGTTTTTCAGATGATGATAGTGATAATAAACATTGTTGTAAA
GACTTTCTTTTGATTGATGATGATTTGTTCAAAAGTTAAACACACCCCTATTATTGTATTTATTTTCTACGTTCT
CTTCCATTTT

>trans_s_653 AB363407|Oryza sativa Japonica Group OsRBP37 mRNA for RNA-binding protein,
complete cds

TGTGCTCAAGAACCATCTATTGTACAAATATTGACAAGAAGGTTACTCAAGCAGAGGTCAAGTTGTTCTTTGA
ATCACTATGTGGAGAGGTTAGCGCCTTAGGCTACTTGGAGATTATCATCATTCCACTCGTATAGCATTTGTTG
AGTTTACAATGGCTGAGAGTGCAATTGCTGCGCTTAATTGCAGTGGAGTGGTGTGGGTTCCCTGCCAATAAG
GGTGAGCCCATCAAAAACCCAGTTCGTCCTCGCTCTCCTCGTGCCCAGCTGAACTGAATGCTCCCTGCATCCG
TCCCATATTGGCCTGGTGCTCGATAGATATATTTATATATATTGCATATATATATATTATGGTTATAGAGATA
TGTTCAGAAGGGGTTGTGGGCTTTGGTGGTGCATGGATCCTCTGCAGTGGAGTTGGTACCTTTTTGTACCTTG
AACTAGGTGTTGTTGGTGAATGAGATATTTGTTAGTTTTTATAGAGTGGATGGCATTGAGGCTCTTAGTC
GTTTATCTCTGATGATGTTATGGTGGATGCACCGGTGGATTCTGTAGGGTTGGTCCCTGGGAACACTTGGATC
TTTCTTTCAATGTTCCCTAACTGGAACTCTTAATCAACTCTCCGCTCTTAGTCTCTTCTCGGGTCTTGACCAT
CTGTGGTTGCTATCTGCTTATTTTGTTCATTCTCTGCTACTGCATAGATAGTATATATGACAATACTCGAACCA
GAATTTTTGTAACTGTCTTTGAGTTTCAAATAGATGGAGGTAAAATAACCCATGCAAAAGAACTTGATAGTC
AGCCTGCCTGCGTTGAAATCCATTGTTGTTTTCCCTTCCACAGCTGAAATGGTTTGAATATGTGGAGATGG
GTGTTGATATTAAAACTTGATCTTTGTGTTTTTGTGAATGCTTGGTCAAAAGAATGAATATACACCGTCGGT
ATTTTCATTGAAGTTAGGAAAATGAAGAGTTTGGTCAAGCTCGGCAGGCGAGGCATTGCCAGGTCTCTTTGGT
TCTACGGGACTTCTAATCTGCTGAGGCTCTTGGTTGGTTTCTTCTTCATCCATTACTAATTATGCCTTAAATACA
TCTCTGTTTATGAGATTACAGTTGTAATTATCAATGTTTTGTTTTATTATGAACTCCACCAAAACAATCCATT
TAATAAGTTTGAAAAACACAAGAATACAAGGAACTAAACTCTGATTCTCGAAGATGTCTGGACGACGATAAC
AGGGTCAAATTT

>trans_s_654 XM_002893017|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata jacalin lectin family protein, mRNA

GCCTGTCATGTACATGGGACCTAATGTTATCAAGTCACTCTCATTTCACTACAAAAGCGAAGTATGGACCAT
TTGGAGAGGCACAAGGAACGCCTTTAGTACCAACGTCAAGGAGGGGAAGATTATTGGATTTTCATGGAAGGA
AAGGTTTGTCTAGATGCTCTTGGTGTGCACTTAGTTGAAGGAAAGGTGACCCCGCTGTCACGTCCTCCCGC
CAGCGATATTATTCCTGCTGCACCGCCACTTCTTGAAAATGGTAATGCCCCTGGACTATGAACTAGCACCGT
CAAAAGGAGCACTGAAGAGATTGCTCGTGGTGTAGTTAAAAACCAGCACCTGTGGACCTGGACCATGGG
GCGGAGATGGCGGTAAACCATGGGATGATGGAGTATTTCTGGCATTAAACAGATATACTTGACACGGTCTCT
TGAAGCTTTTTGTTGATTCAAATTGAATATGATCGAAACAAACAATCAGTTTGGTCAGTTAGGCATGGAGGA
AACAGTGGAAACAAACGTACATCGGGTAAAATTGGATTATCCACATGAAGTGTTAACATGTATATCAGGATATT
ACGGTTACATCGGTAAAGACGAGAGACAACAAGCTGTAAAGTCGCTTACATTTACACAAGCAGGGGGAAGT
TCGGTCCTTTGGGGAGGAGGTAGGGTCGTTTTTCACGTCAACGACGACAGAGGGCAAAGTAGTTGGCTTCC
ATGGGAGAAGCAGCTTGATTTGGACGCCATTGGAGTTCACATGCAACACTGGCTAGGAAGCCAAAGGGCAT
CCAGGTCGTCCTTTTCAAATGTTCTGATATGAACTGAGAATTAATAAAGCTGGGGATGGAGCAATATGAT
TACGTTAATAACAATTCTGAAAAAGTGAGATTCTTCAACTTTTTCTTGCTTCCATTTGCATGGAAAAGAAT
GTTTGGCCTAATCAATGACGCTTATCATATTCTTGATATGATATTCATATCCCTCTCTTACAAACATCAC
TTAGTTTGATCATTCTAAACATCCTCCATCCTTATCCTTTTCATCTGTAGATTAAACCTTCCCAAACGAGTTGA
TACTGTTTGTGAAATGTAATAAAAATTGAATGTGATAAAGCATATTGAGTGACTTTTTTAAAGTGATTAATAA

GTCATTCCAAGTAGGTCAAAAGTTATTTCTGGAGGTGTGTTGATTATGTGTAATATTGTGATATAATATTATGT
TGTAATGAGGTGGAGGGGATGATT

>trans_s_655 AY458843|Glycine max heat shock factor protein hsf8-related mRNA, complete cds

CTTCTTCATTCTTCACCTCCAAAACCTCCGATTCTTCTCATTTTCATCTTCAATTCGAACCCTCTTTACCTCCTGAA
CATGGGATTTCTCCGTTTTTTCACATTTTCGAAACCCTAATTTTCTGATTCTCTATTTTCTGTTTCAATTGTTTGTAT
TTCTTATTGTTCTTGTGTTTTTGGACCGTGAGATGGACGGGACTGCTAATGGTGGTGATTCTGGATTGGCTTCC
GGGAGTGGAAACTCTCATCCGACGGTCCGGCTCCTATTACTAATTCTAACGCGCCTCCACCGTTTCTGAGTAA
GACATATGATATGGTGGATGACCCGGCTACCGATGCGGTTGTGTCCTGGAGCCCTACCAATAATAGTTTTGTG
GTTTGAAATCCGCTGAGTTCGCTAGGGATCTTTTGCCTAAATACTTCAAGCATAATAACTTCTCCAGTTTCGTC
AGGCAGCTCAACACCTATGGATTCAGGAAAGTTGATCCAGACCGTTGGGAATTTGCTAATGAAGGCTTCTTAA
GAGGTCAGAAACACCTGCTTAAGAGTATTACCCGGCGAAAACCTGTCCATGGGCAAAGTCAGCAACAACCAC
AGCAGTCTCATGGACAAAGTTCCTCAGTTGGAGCTTGTGTGGAAGTTGGTAAGTTTGGTTTGGAGGAAGAGG
TTGAGAGGCTTAAAAGAGACAAAAATGTCCTCATGCAGGAAGTTGTGAGACTGAGGCAGCAGCAACAGACCA
CTGACAACCAGCTGCAAACTATGGTACAGCGTCTACAAGGGATGGAGCAGCGACAACAGCAGATGATGTCAT
TCCTTGCCAAGGCTGTGCAAAGTCTGGCTTTTTGGCTCAGTTTGTGCAGCAGCAAAATGAAAGTACTAGACG
CATAAGTGAAGCTAATAAAAAGCGAAGGCTAAAGCAGGATGGAATTGGGGAGTCTGAACATTCTCCTGTTCC
TGATGGGCAGATTGTGAAGTATCAACCTCTCATGAATGAGGCAGCAAAAACAATGCTGAGGCAGATAATGAA
AGTAGATACTTCACATTTGGATTCAATGAACAACAACACCGACAGTTTTCTAATTGGCGATGGTTTGAATCGC
CGTGACAGCTATGGACAATGGGAAGTCTTCCAGTTCTGTATCAGGCGTGACTCTTCAAGAGGTACCTCCGAC
CTCATCTTTTAATTCAGCTGCTTCTGGTGCTCCTCATGGCCCCTCAACAGCCAAATCAGAAATCAATCGTCCCC
CCAAGCTACAAATTCTGACA

>trans_s_656 XM_002889386|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphoribulokinase/uridine
kinase, mRNA

GGATATGGTTGAAGATGGCTTCGAGCGCTTGAGTCTCTCTTGAATTAATCAGTTTTCCATGGAGTTTCTAGTTT
CGAGTTAAATTATTTTCATGAACCTCAACATTCTCTCTCATAATTCGCCATGGAAGCTTCGTTTTCTCTAGCTG
CCGCAAAAGGAATAAATTTATCTGCAGAATTGGTTTCTTTCGTGAAGGAAAAACCTGTACCAAGAGATCATAA
CTTTCTGTCAATTCAGCCTATAAGTATCGATCACTGCACTGTGGTCGGACTAAAGGTTTCTGTAGGAAGA
ATAAGTGTGTGACTGTTTTTTCAGCCAAAAGAGAGAATTTTCTGTTGTAGAGGGCAGGTGTATAGATGACAT
ATATGATGATTTAGCAAGGCGTCTTCTTCCAACAGCAGCAGCAGCTTCAGATTCTGATCTTAAATATATTGTAG
GTTTGGCTGGTCCCCCTGGTGTGGCAAACCACTATAGCATCTGAAGTGGTGCAACGTTTAAATAAGTTATG
GCCCCAGAAAGCTTCTCAATGGATTCTCAAGTAAATCCTGCTGATGTTGCTGCTGTTCTCCCTATGGATGGTT
TCCATCTTTATCGTTCTCAGCTTGATTCAATGGAGAATCCGGAGGAAGCGCATGCAAGACGAGGAGCTCCTTG
GACATTCAATCCTCAGCTGCTACTTACATGCCTCAAGACACTAAGAAGTCAGGGATCAGTATATGCACCATCGT
TTGATCATGGCGTCGGTGATCCAGTTGAGGATGACATCTTCGTGGGCCTTCAGCACAAGGTTGTTATAGTAGA
AGGAAATTATTTACTCGACGATGGGGTTTGGAAAGAAATCTCATCAATGTTTGATGAGAAATGGTTCGTA
GAAATAGATATTGACAAATCGATGGGACGAGTTCTCAAAGACATATTTCAACAGGAAAACCTCCTGACGTTG
CCAAATGATTGAGAACAATGACCGACCCAATGCCGAGCTCATAATGAAGTCCAAGAAGAACGCAGATTTATTA
ATTAGGTCAGTCGATTCTGAATGTAGAATTTAACTTTCCTTTACTGTTGGAGAACTTACATCTCCTGCATACCT
TAGAATTGAATTTTCTTTTCATCTGCTCTGTCTTAAGACCTTCCAAGCTCTGGAGGTCATTGATAAGGA
ATCAAAATAAATTGGAAGCCCTGAAAATCAGAGGTTATGTTTAAGAAATATTAGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_657 AY042793|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F8D20.20) mRNA, complete cds

GCTGTTACAGTTGCAAAGAGTGCCATGGACTTGGTTGCCTCGATTCTGAAGAAGCAGCTTATAAAGAAATAA
ATCTGAGAAAGAACAAGCTGAAGAAACATGTCCCAGTTCAGTTTCTGTACACAAAATATCAACCTCTTGAGAA
TACTAAGACAGATGAAGAGTTAGCTCGAAATTGCATCGGACAATAAACAGCTCCCCTAGAATTTTGAAGAAT
TCATCTGGTTCTGACGTTAGAAGCCACAAACATAAAAAGTTGAAAAGCTCAACCAGCTCTGAGAAAATTAGGG
TTTCCAATTGTGGCATCTCACAGGATTTGGACCTGCAACTACGTGCAATGGGCATGCTAAATCTAACGAGGC
TGACTCTGAGTGTAGCTTCCAGGAGGTATACAAGCCCAAACCTGATGAGAAGACTAGTAAATATGAGAAGAA
CAATCAGTCTCTGACGGATGATGGAGAAGAGACAAGTCAGAAGGAGAAAAACGTGTGATGATATTAGTGTAC
TATTA AAAAGAGGGGAAGAGTAAAGCTTAAAAAATTGCCCTTGAGTATTTGTTCTTTCAGGGACAAGACAAC
CTAAAGGAAGATATGAATAATGGAAGTTCCTCAATATTGACTGTGCAAAACATGGGGTCTCCACATCTGAAA
AAGTTATTTTACATTCTGTAGATAGCCCTACCGAAGGTGTGATGCCAATAGATTCTACATCAGTATGGAAATGC
CAGGAGTTTAAAGCTCCCCTTCTGTCAAACAAAATAAAGTTGTGCAGTCATGACTGGAAATGACATGTGGTA
AAAGGTTGCTGCTAATAGAAAGTTGATAGTTGAGGTAGGATCCTTGCAACTTTTCTTATAGAAACGACTTTACT
CCATCTGTCTTCTTTTGTATCCGCATGTCTTGTTCACGATGAACTGGGATAGACCAATTGTAAATTTTATATTA
TGTGTTTGAATATTCTCCAGAGTTGAAAGATATTCTTTACGACACAGAGCTTGAAGTCCAAATAAGTGAGGGA
GGGTTACAATAAAACGAATACTCGAACACTCCTGTTTTTCAGGAGGCATTTTGTCTTAATTTTATTATATATA
CTGAATATACTAAAAAGCAATGCCCGTGTATCTGTAGGTAAGATCTGTAGATGGTTGTTTTCGTGGTCCTACTA
CAGTTGTATCAATATATTACTCAATGATGTCCTCATTTATAGGAGTTTGTGGATTGAAGAAATTGAAGAAAATT
CCAACAATTGTGTTTGGTACTT

>trans_s_658 AF508278|Lilium longiflorum COP8-like protein mRNA, complete cds

GGCAGCGCTCGGGCGTGCCATAAAACCGTTTTGATTTCTTTCTTCTCTTCATTATCACCGTTTTTCATTGTTG
AGCCGACACGCCAACGATCTAGAATCGGAAAATAGAAGCGTTTCCCTCCATTCCCGGGAGGAATTAAGTGGT
GGTGGAGAGTGGAATTTCTTGGGCTAGGGTTTCTTAACAGCCGGTGCTTGAAAAGTTGAATAGCCATGGAGA
GCGCCTTTGCGAGCGCTCTGCTATATCAGACCAGAGGCAGAAGATCGAACAGTATAAACACATTCTGTATAA
TGTATTGTCGTCGAACGATAGGGTTCAAGCCAAGAAGTTTATCGATCACACACTATCCGACGAAGTTCCACTT
GTAGTTTCGCGGCAGCTCTTGCACTCTAGCGCAAGAGTTGGGGAAGTTGGAGGGGGAGATTCAGAGAGA
GATTGCCCATACATCCTCGCTCAGATTCAGCCGCGAGTCGTCTCTTCGAGGAGCAGGTGCTGATTATTCGG
GAGAAGCTTGCTGAATTGTATGAATCAAAGCAGCAATGGTCAAAGCTGCACAGATGCTCAGTGGCATCGAT
CTAGACTCTGGAATGAGGGTGATTGATGAGTCATACCGTTATCAAATGTGTTCAAATTGCTCGTTTATACCT
TGAGGATGATGATGCTGTTAATGCTGAGGCCTTTATCAATAAAGCTTCATTTTGGTTAGCAATAGTCAGCACG
AAGTCCTTAATTTACAATACAAGGTTTGTTATGCTAGGATCTTGGACTTGAAAAGGAAGTTCTTGGAAGCAGC
ACTTCGTTATTATGATATATCCCAAATTGAAAAGAGACAAATAGGAGATGAAGAGATTGACGAAGAAGCATT
GGAACAAGCTTTATCTGCTGCACTGACGTGTACAATATTGGCTGCTGCTGGTCCACAGAGATCCCGAGTTCTT
GCCACATTATACAAAGATGAACGTTGCTCGAAGTTAAAAATCTATCCAATACTGCAAAAAGGTTTACTTAGAAA
GAATTTTGAGAAAACCAGAAATTGATGCATTTGCTGAAGAGCTAAAACCTCACCAGCAAGCCCTTCTGCCAGA
TAATTTTACTGTGTTGGATCGTGCTATGATTGAGCATAATCTTCTTAGTGCAAGCAAACCTTACACAAATATAA
GTTTTGAAGAATTAGGCACTTTGCTGGGTATTCCTCCTCATAAGGCTGAGAAGATAGCATCAAGAATGATATA
CGAGGACAGAATNGAGGGGATCGATTGAC

>trans_s_659 XM_002879612|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADK/ATPADK1, mRNA

TTTTTTTTTTTTTCTCTATTTGCAAAAACCTCCCAAATCTGCACCGTCCACTCATGGCGGTGCTCAACCGCTTTG
CCGGAGCGAGGGCGCCGGCGACCTTCTATTCTTCCATGTTTAACTATTATGCTCTGTGGAAGGCCTTTTCTTCT
TCTTCTTTGAGTTCTGAAGTTGACCTTAAATCGACTCTGCTGAGCCGGAGTTCATCTTCGCGGCCTGATCGTCC
GATGGATAGGAATGTGCAGTGGGTTTTTCTGGGCTGTCCTGGTGTGGGAAAGGGACTTATGCATCTCGACTT

TCCAGTTTGCTTGGTGTTCCTCATATCGCCACCGGTGATCTCGTCCGTGAGGAGCTTTCCTCCTCTGGTCTCTT
GCTTCTCAGCTCGCAAAGATTGTTAGTCAAGGAAAATTGGTTTCAGATGAAATTATTTGATTTATTATCCAA
ACGTCTTCGAGCTAGTGAAGCTAAGGGTGAATCTGGCTTTATTCTTGATGGTTTCCCTCGGACTATTAGACAAG
CGGAAATATTAGAAGGGGTCACTGATATTGATTGGTGGTTAATCTAAACTGCGAGAAGAAGCACTGCTCG
CAAAATGTCTTGGTCGGAGAATATGCAGCGAGTGTGGAGGAAATTACAACATTACATGTATTGAAATCAAGG
ATAAGGAAGGCAGACCTGAATTATACATGGCTCCCCTTCTTCTCCCCCTAACTGTGCATCTAACTTATCACAC
GATCTGATGATACTGAAGCAGTTGTGAAGGAACGACTCCGAATATACAAAGAAACGAGTCAACCTGTTGAGG
ATTTCTACCGTAGGCGAGGAAAGCTATTAGAGTTTGATCTTCCCGGAGGGATTCCCGAATCCTGGCCAAAGTT
GCTTCAAGCACTTAATCTTGAGGACCTCAACCACAAACAATCAGCTGCAGCCTAAAGTATGGTTCTTTCTTGTA
TGGTAGTCAATATAACATATATTCTTTGCATTTGAAATTAAGTGCACCTTACTGCTTTTTATTAGCTCAAAGTT
GGAGTAAATAAAATTGTAATAACTGGGAAGTGGGTACACTCTTGATTAATAATAGCATTAGTCTTTTTTGAAA
ACTAAAAATTAGAATTGTCAATAGATATTTCTATAGAAGAATAGCCTAATGATGTAATCTTTTCACAGATATT
TTGATTCTGTTTCTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAACAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_660 AJ006378|Lycopersicon esculentum sbt1 gene

GAGGGAACAATTAGCCGATGCACATCTCATACCCACGGCGGCCGTGCGCCAAGAAGCCGGCGACGCAATAAA
GAGCTACATCTCCTCTGATTCAAACCCAACAGCAACAATCAGCACCGGCACCACAAGATTAGGAGTTCAACCG
TCGCCGGTGGTGGCCGATTCAAGTTCTCGTGGCCCTAATCTCCTCACTCCACAGATTCTCAAACCCGATCTGAT
AGCACCGGGTGTGAACATTCTGGCTGGATGGACCGGCGGCGCTGGACCAACTGGTTTAGACAGCGATAAGC
GGCACGTGGCCTTCAACATCATCTCTGGGACATCAATGTCTTGTCTCACATCAGTGGATTAGCCGCTCTTCTT
AAAGCCGCTCATCCAGATTGGAGCCCAGCCGCTATTAGATCTGCCCTAATGACCACAGCATACTCCACATACA
AAAATGGCGAAACGATTCAAGACATATCCAACGGATCACCATCAACGCCGTTGATATCGGAGCCGGACATGT
AAATCCAACGGCTGCCCTCGATCCTGGCCTTGTTCAGATACCACCACCGACGATTACTTGGCCTTCCTCTGTG
CCCTAAACTACAGCTCACTCCAAATTAAGTAATCAGCAAGAAAGATTTACATGCAATGGAAACAAGAACTA
CAAATTGGAGGATTTGAACTACCTTCTTTGCAATTCCATTAGAAACACCTTCCACCAAAGAGGTGAAAATG
TTGCTCCGACCACCGTAAATATACGAGGACACTGACCAACAAGGGTGTCTCATCGACGTATAAAGTGTCAGT
GACGGCGAAAATTTCTGTCAGTGAAGATTGTGGTGGCGCCAGAATCATTGAGTTTTACAGAGGCAAACGAGCA
GAAGAGTTATACAGTGACTTTTATTGCTTCTCCAATGCCGTGCGGGTCTCAGAGCTTTGCTCGTCTGGAGTGGT
CAGATGGGAAACACATTGTGGGAAGCCCCATTGCTTCACTTGGACTTAACTTCAATACCCACAAGAATCTTCC
ATAGAATTGAAACAAGTATTCTCCTTATGACTTGTATTGTTAGTATTGTCTGTCTAGCCAGTGTTAACCAT
ATTATATATTCATGGGAAAGGAAAAAATAGAAAGAAAGAAAGGTGGCAAAAAAATTGTACAGAAAATTCTA
GCAGATTTGGCTTCTTTTACAAGTTTATAACATCAAATCAAGAATCCCATTCTTTCGTTTACAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_661 NM_121591|Arabidopsis thaliana ATPCME (PRENYLCYSTEINE METHYLESTERASE);
prenylcysteine methylesterase (ATPCME) mRNA, complete cds

CAGAGAGAGACGTCATTGTAGCCTCCATTGACTATAGAACTTTCCTCAGGGTACAATCAGTGACATGGTGAA
AGATGTTTCTCAAGGGATTTCAATTTGTATGCCAGAATATAGCAGGCTATGGAGGAGATCTGGACAGAATCTTT
CTGATGGGACAATCAGCTGGTGCACATATTTCTGTTTGTGCCCTCTTGAATCAAGCAATCAACGAAGCCAGAA
AAGGAGAGAGTGTAGATTGGAGCGTCTCCCAAATAAAGGCTATTTTGGTTTATCTGGAGGGTATAACTTGTT
GAACTAGTTGATCACTTTGATAGTAGGGGTCTATATCGTTCTGTCTTTTGGAGCATAATGGAAGGTGAAGAA
TCTTTGTCCAGTTTCCCCGGAAATAAGAATCCAAGATCCTAGTGTTAGTGATGTTGTTTCCAGTTTACCTCCT
TTTGTTCTTTTCCACGGCACGGGTGATTATTCAATCCCATTGGTGCCAGTGAAACTTTCACGGAGACACTTCG

GAAAGCAGGGGCACAAGCTGACTTATTTCTCTATGAGGGAAAACTCACACAGATTTGTTCTTCAAGATCCA
TTTCGTGGAGGCAATTATGAACTTTTTGATCAAATAGTTGCCATATTACATGCTGGTGACGAGGAAGCTCTTGC
AAAGGATTCTATGGCACCACCAAAACCGCGCCTTGTTCCAGAGGTATTGATAAGATTGGCACGAATGGTTAGC
CCTTTCTGAATCCTTCCTCCATTGTCTTTAGCTTTTACAAACAAATGACCAATTTCTATGGGGTAATATCTGTG
AATATTACCACTGTATTCACTTTGTGTGTTGGATATCCCGATGTATCATTGTAAATTGGTTTAGAAGCTCTTGAA
TCCAGCTATTGCTGGAGAGTATTCAAACTTCTATTTCGTTGTAGCATCATGGATATTTGTAGTGCCTATTGTTG
GTTTAGAATTAGCAATCCTAAGATTGCCCATTGATTATGTATTATTGTTTGTTTAACATACTTAGCTATATAAT
ATTTACCGATTGTTTTATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATTAACCCCCCCCCC
CCGGGGGGGGCCCCGCCCC

>trans_s_662 NM_001054943|Oryza sativa Japonica Group Os02g0799300 (Os02g0799300)
mRNA, complete cds

AGAAAAATCGGCTCGGATTCTGCAAAGCTCTATCCCTCTCTCCCCCTCTCCCTCTGAATGTGAGAATGAGAGCC
ATTATGTTCTCTCCGACCCATCTTCTCCATTTCCCTTCTTTTTTACCCTCTCTTCTTTTCTCTCATTCTTCACTC
ACCGTCTCTGCTCTCAGCGACATTCCAATCTTCGAAACTCTGCTGGGGTTGAGGCTTTTCAGGGGTCGGAGC
CATGGAGGAGTGGAAGAAGCCTTGCCGAGCAGGACCCTGCTGTGAATTCGTCTCTGATTTTGGCTGAAGACA
GGACTCGGAGGAAAGACCCCTTGATGACTTTAAACCATATACGGGTGGATGGAATATAAGCAACCAACATT
ACTGGGCTTCGGTTGCTCTTACTTCTATTCTTTTACTGTCTATTGCTTGGTTTGTGCTCTTCGGGATATG
CTTGTTTCATCCTGTCTTTGCTGTTGCTGTTGCCGAGGGAGCCTTATGGCTATTCTCGAACGGCCTACGCTC
TTTCTCTGCTTCTCTCATTCTTCTCACCATCTCAGCAATTGTAGGATGTGTTGTGTTATATGTTGGTCAAGGGA
AGTTTCATAGCCGTACATCGAGCACATTGGAATATATAGTAAATCAGGCAGATGCAACTGCTGAAAACCTCAA
GAATTTGTCGGTATATCTTTCTTCAGCAAAGTCAATCAGAGTCGATTGATATTTCTGACTCCAGATATCCAGA
AAGGAATTGACGATATTGGTACAAAGATAAGTTCTGTTTCTTCCACTCTACCGATGCAGCTTCTAACAACCTCA
GACAAGATACAAAATGGCCTAGATGAAAACCGACGCGCCCTCATTATTATTGCTGCTGTTATGCTCTTGTGGC
ATTTATTGGATTCTTATGTTCCATCTTCGGATTGCAGTGTGTTGTATACACCTTGGTAATACTTGGTTGGATTCT
CGTTACAATCACATTCTTTCTGTGTGCCGTGTTTCTTCTCTCCATAATGTGGTCGGAGATACTTGTGTTGCAAT
GGAAGATTGGCTGCAGAATCCCACTGCCAACACGGCGTTAGATGATATCCTTCTTGCCTGCGATAATGCCACT
GCCAAAGAAATTGAGTCGGTAACCAAAAATGTGAGTTTCCAATTGATAGTTTGGTCAATGGAGTGATCAACA
CAGCCACAAATGTCGACCCCCCTCCGAATATCGGTCCCCCTGTTAATTACAATCAATCTGGCCATTGGAGCCG
CTTCTCTGT

>trans_s_663 NM_101170|Arabidopsis thaliana glycosyl transferase family 17 protein
(AT1G12990) mRNA, complete cds

AAGGGAAACGGCTAAATACTTTCCGTTTCTTCGCTTTCGACTGAATCTGCTGAATTTCCGCTTCTTCTTTTTTCTG
ATTCTGGTTTAACTCTGCCCTCGCCGCCGCTGCTGTTTCTCCCCATTTCTGCTAATCCTTGACTTCACTGTTTGTT
TAATCCTTGTCGACCCAATTTCTGACCCCCGAAAGGAGAAGACCCAGTTTGTTGTTTTTCTTTTTTTTTTTTTT
TGTGTTTCTTTCACATCTACAAATGTGGTGGATGATGGGTGAAGGTGGAGGCCATTACTGTTCCAAGAAATCT
GATGATATTTGTGGCGATGTTTGTGATCAGGAATCCAATCGGGTATTGGGGATGTCTAGACTTCGCTGCATTT
TTCGTGGATATGATGTGAAAACCTTCTTATTCTTTTTGCACTGGTGCCAACATGCATCTTGATCATTTACTTGC
ATGGACAGAAGATTTCACTTCTTACGGCCACTATGGGAATCCCCACCTAAAGAATTCAATATGATTACTCAC
TACTATGATGGGAATGTATCTATGGAGAACCTATGCAAACTCCATGGTTGGAAAGTCCGTGAATTTCCACGAC
GTGTTTATGATGCTGTGCTGTTCAAGTAATGAGATTGAGATGCTCACCTTGCGATGGAAAGAACTCTACCCTTAC

ATTACACAGTTTGTCTTCTCGAGGCAAATTCAACATTTACTGGGAAGCCAAAGCCATTATACTTCGCTCGCAA
TAGAGACCAATTCAAGTTTGTGGAGTCAAGATTTACTTATGGCACTGTTGGAGGGAGATTTAAGAAAGGGGA
AAACCCGTTTGTGGAAGAGGCATTTAGCGGGTTGCACTTGATCAGCTTCTCAGAATTGCTGGTATCACTGAT
GATGACTTGTGATAATGTCTGATGTCGACAGGGCAGGTAGCAGGCACACAATTAATCTCTTGAGATGGTGTG
ATGACATACCAGAAGTTCTTCATTTACAACCTAAGAACTATTTGTAAGTCTTTGAGTTCCATGTTGATGACAATA
GTTGGAGGGCTTCAGTCCATAGATACAAATCTGGTAAGACAAGGTATGTTTATTATCGCCAATCGGATGACCT
GTTGGCAGATTGAGGGTGGCACTGTAGCTTCTGTTTCCGTCGTATCAGCGACTTCGTCTTTAAGATGAAAGCAT
ACAGCCATAATGACAGAGTTAGGTTCTCTAGTTATTTAAATCCCAAAGAATTGAGAAGATTATCTGCAAGGG
TTCCCGACCTA

>trans_s_664 XM_002879901|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

GAGAGCACAGAAATGAGAGGGATCAACGGAGTCATGAAGAAGGCTCTTGGAGACATGGAGTTCACCGCCGG
CGGTGGAGCCATCAATTGGTTCCCCGGCCACATGGCTGCAGCCATACGTGCCATTGCCATAGACTGAAGCTC
GCGGACATGGTCATCGAGGTTAGGGATTCCCGAATCCCTTGTCTCGGCCAATCAAGACCTCCAGCCTCATCT
CTCTTCCAAACGCCGCGTCATTGCCCTCAACAAGAAAGATTTGGCTAACTCTAATATCATGAATAAATGGGTTG
ACTTTTTGACTCATGCAATCAAGATTGCATACCAATTAACGCTCACAGTAAGAGTTCTGTTCCGAAGCTTCTC
GAGCTTGTGGAATTTAACTAAAGGAAGCAATTTCAAGGGAACCTACTCTTCTTGTATGGTCGTTGGTGTTC
GAATGTTGGGAAGTCAGCTTTAATTAATTCAATCCATCAAATTGCTTCTGAACGCTTCCAGTGCAGGAGAAAA
GGAAGCGAGCTACTGTTGGTCCCTTGCCTGGGGTACTCAAGATATAGCTGGCTACAAGATTGCTCATCAACC
TAGCATATACGTTCTAGACACTCCTGGTGTATTAGTTCCAAGTATCCAAGATACCGAGACAGGGCTGAAACTA
GCACTTGCAGGATCTGTCAAGGATGAAGTGGTGGGTGAGGAGCGGATTGCTCAATATCTTCTGGCTGTTCTG
AATTCTCGAAGGACTCCTTTCATTGGAGGAGACATTTGAATAACAGAAAAATGGAAGGTATTCAATATGAAC
CAGAGGAAAGACACAGATTTAATCTTAATGACCTCCAGCCAAAGAGGAGGGCTCTTCCAAATAAGTCTGATGC
GGTATATGTTGAGGATCTTGTAACTGAAGTTCAATGCGCTCTGTACACAACCTCTATCGGAATTCGATGGTAAC
GTTGAAGACGAGAATGGTTTAGAAAGTCTTATAGAAGTGCAGTTTGAAGCATTGCAGAAAGCGATGAAGGTG
TCACATATGGCAGCAGAAGCTCGTTTGAGAGTATCGAAGAACTACTTACTCTATTGAGGGCAGGTAAGCTTG
GTCAATTATCCTTGATGATGTCCCTATCACAAAAATTTCTTAGGAAATTAATATTCTTTGTGTTTTGTTGTTTA
ATGGTGATTTAATTAGTAGAGCTATTAGTTTGTATTTGCATCGTCAACTCATTGTAATATATTGGTTTAGTTAT
CTCGTTTTGATTCAAAAAAAA

>trans_s_665 AC005964|Arabidopsis thaliana chromosome V map 60.5 cM, complete sequence

ATTGATGATAGCTCTTTCTCTCCGGCATGGTTGCAATGATTATGCTCCGCACACTATACCGTGATATTTCAAA
GTACAACGAACTTGAAACCCTGGAAGAAGCTCAGGAAGAGACAGGGTGGAGCTTGTCCATGGTATGTTTT
CAGGCCCTCTAAGAATTCAGATCTGTTGTGTGTGTACGTTGGAACGGGAGTTCAGTTCTTGGGAATGGTTGT
GTAACAATGATGTTCCGCATCCTTGGGTTCTCTCGCCTTCAAACAGAGGTGGACTTATGACCGCCATGCTCTT
GCTCTGGGTCTTCATGGGTCTTTTTGCTGGTTTTGCCTCCGCTCGCCTCTACAAAATGTTCAAGGGTGCAGAAT
GGAAGAAGGTTGCCCTGAAGACTGCCGTATGTTCCCCGCCACCATATTTGCTATATTCTTTGTTCTAAATGCT
CTGATTTGGGGACAGAAATCGTCTGGGGCTGTTCTTTTGAACAATGTTTGCTCTAGTCTTTCTATGGTTTGG
AATCTCAGTTCCCTCGTCTTTGTGGGCAGCTATGTAGGGTTCAAGAAGCCAGCCATTGAAGATCCAGTGAAG
ACAAACAAAATCCCAGGCAAATCCAGAGCAAGCTTGGTATATGCACCCAGCTTTCTCAGTTCTCATTGGAG
GAATCCTCCCGTTTGGAGCCGTTTCATTGAACTCTTCTCATCCTTACCTCAATTTGGCTGAACCAATTCTATTA
CATTTTTGGTTTCTCTTCTTGGTTTTTATTATCCTCCTCATCACTTGCCTGAAATCACCATAGTCTCTGCTACT
TCCAGTTGTGCAGCGAAGATTACTTATGGTGGTGGAGATCTTACTTAACTTCAGGCTCATCTGCCCTTTATCTCT
TCCTCTATTCCACCTTCTACTTCTTCAAAAGCTCGAAATCACGAAGCTCGTATCTGGGGTATTGTACTTTGGAT

ATATGTCGATTGTGTCATACGCATTCTTTGTTCTCACTGGTACCATTGGCTTCTACGCTTGCTTTTGGTTCACAA
GGCTCATCTACTCATCAGTGAAAATCGATTAATGAAGTCTAAGCAGATAATCATCGTTGTTGTCGTCGACCATT
ATTTTGCTCCATTTACTTTTGCAAGGATACCAAAATTATATTCTTGTAAGATTTTGAAATCGAAGTATTACTATGA
TGCTTTTCAGATGTAGCCTGTTGTAATTTGAATGATGACAATTCTGTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_666 NM_126390|Arabidopsis thaliana uvrB/uvrC motif-containing protein (AT2G03390)
mRNA, complete cds

AAATCATCAAGCAGCAAGAATCGAAAAAGGGGTAACTTCAAAGAGCGAAGTTCAAGACAAAGGTTTAAATA
TCATTGTTTTACGCGCAGATTTGCAGAAGGCTATTGAAAGTGAAAATTATGCTTTGGCTGCACAACTGCGGGA
TGAAATTTCAAATTTGGAACTGAGTCCCTAGCTGCATCAGCAAAAGTTCTGGCTTACGAAAGTGCTGAATAT
AGTTTTAGATTGGGACAGAAAGTGAGGCACAAAATTTTGGTATTATAGTTGCATGCTTTTCACACCAGTGTTT
CAGCTTTATTTAATTGCTTTGAGGACAAATATGGTAAGTGTGAATAGTACTCTAGTAAAAGACATGAATTTGG
AGTATTCTATCAAATTACAATATTGGAGTCGCGACTATCATGGATTTTATAGATTGAAATGCACAGCATTACAGA
AAGATTAGTAATGTAGAGAAGTTGGTAACATTCAAAAAGATCATTCTCATTCTCGCCATCACCTTGCATTTTC
ACTAGAGTGTCTGTTCAAAATTTTTCATCCTGGATCCTTCAATATGCCACACTTTCAACTATAGTTTTGTGTTA
GCGTCTCTTTCTCATAGTAAACATTTTTCTATCAGGATACATAGGTGTGGTTTGTGGAATGGATCCTGTGTG
CTGTGAATCAAGTTCTTGGATGGAGATAGCACAAAGTTGAAAAATTATCTCGAGGTTCTAATCAGCCATTTTATC
AGGTTTTAGTCGATGTTTCGTACAGACCCAGATTTACTGGTTGCATATGTTGCCGAGGAAAATCTTCTGCTCCC
GAAGAACCAGATACGGAGAGGTTTCGACCATCCGTATAGTTCCTTCTTATTCTATGGAGTGGATTTCAGCCGGGG
ATTTCAATCCTATAAAGCAACTACGAGAGAAGTACAATCGGCCTCGGCACGAAATTCCTTTTGATCCTCAAGAT
GATGAGCAACAGGGCGACGATTGATTGACGCACATCTTCAGAAATCCGTGATCCAACACCTTTCCAAAATGGT
TTGTTTCATCTCATTTCAATTGATTTTCAAGAGACTTCACTGTAACCTTGATAATTGAAAATTCTGAATCAATGTTGT
ACATATAGACAGACATAGCATCTCATAAATTCTTCTCGTTGCTTTGTCACCGAAAAGCTAAAGCTGGATTTTCT
TTTTTAACTATTTATTTGGATAATTTCTTATATGATACTGTTCTCATTGTTAGTCAATGCTTAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_667 EU583456|Betula pendula histidine kinase 2 (HK2) mRNA, partial cds

AATCATTAACCAACCATCTACTCTTAGGAATCTGCTGAAAGAAAAGCGTATTTTGGTTGTGGATGACAATGCA
GTAAACATAAGGGTGGCAGAAGGTGCACTCAAAAAATATGGAGCCGTTGTAACCTGTGTAAATGTGGAAAG
GATGCTGTGGCTCTCCTCAATCCTCCACATAACTTTGATGCTTGCTTCATGGACCTCCAGATGCCTGAGATGGA
TGGGTATGAAGCTACAAGACAGGTCCGTGCTGTAGAATGTGGGGTGAATGCGAAAATTACATCTGGAGAAGT
GTCAATTGAGAACAAATAAGATCCATTGGCACACACCAATATTTGCTATGACGGCAGATTTAATTCAGGATATG
AGTGAGGAGTGCTTGAAGTGTGGAATGGATGGTTATGTAGCTAAGCCATTTGAAGAGGAGCAACTTTATTCA
GCTGTAGCACGTTTTTTTGAGACTGCTTGACACGGTACTGCACGCAGCAGCAATAACTGTTTCTTACCTCTCTG
ACCCAAAGGTCACTCTCATGCTACGATGGGTGACTCCAGATCATGGCTGCCCATCTTCTGACTACTCTTTCCAG
CTATCAGGTGGTGGATGGAGTTAATCTGGTCGCGTCCTTCTCATCCTTTAATTTGTGGAATGACAACCATGAGT
AGGTAGTCTTAGCAGCAGGTGTAAGCCAAAAGGGAAGTCGCGCAAACGGTGTATAATCTCATGGCTCCAACG
GCCATTAACATAAAAAATGGCTTCTAGATGGCCCTGACTTCCTTGTGAGTAACTCAAATGTTATGATTTGCCA
ACATCACTCATTTATGAACCTGATGATTCTTATCTCCTCCGACATGGCTTATCGAAATCCTCCTTTGTCGTGTAT
AGGGGATAATAGAATCATCACCATTTTCCAAGCTGACTCCAAATGATTTGACATTTTCCCTAGCTGTATGCAC
TCTGACAGATTTAACAGAACGCCAATGATATCTTCTAATAATCAGAAACACCAGAAAAATTCATATTTAAAGAG
ATGTCTGCTGCTGTTTCCAAGCATTGATATTTGAAGAGTATTGTATATTCCTATGTATACAAGAATTTGTCTTAA
ATTATGTAGTTGTCCCTTAAGGAATATTCTGAAGTATATTTGTAAATCATTTCTGTAAGGCTGCAGTTTAGTGA

AGGAGTAGTTGATATTTTGTACATCCTCTATACAAATCTTTATCACTGTTATTGCATCTTCGATTATCTTTACTGG
TTGTACTTTTAGTAG

>trans_s_668 NM_105338|Arabidopsis thaliana CLPP3; serine-type endopeptidase (CLPP3) mRNA,
complete cds

TGGGTGCTTCCCCTTCTGCTCTCAATAGCGAAAATGGAGTTGAGTTTCACACACGCACCTTCTCCTTCGCCTTAT
GGGCTTAAGCGTTTCGACCATGGACTTCATCACTCTTCTCATGTTCCAATTTCTACTCCTTCCAACCACTCCCAT
GGCCGCAATTTCACTTCTAATAATTTTAGAATCAGAAATTGTTCCGGTCCGGTGCTAAACCACCCCTCGCTTAGT
TCCTCTTCTCTTAGACGCACCTTATCCAGTAATTGGGATGTTCTTAGCAACTATTCTGCATCTTCCGCTCCATCCT
TGCCTCGATTGGAAGAGCTTGACACTACCAATATGCTTCTCCGCCAGCGAATCATCTTCTGGGTTCTCAGGTT
GATGATGTGACGGCAGATTTTCATCATAAGCCAACTACTCTTTCTTGATGCTGAAGACCCAACCAAAGATATTAA
ATTGTTTATCAACTCACCTGGTGGCTCTGTCACTGCTGGAATGGGAATATATGATGCAATGAAGTTATGCAAG
GCTGATGTTTTCAACCATTTGTCTGGGACTCGCTGCATCCATGGGAGCATTTCTTCTAGCCTCTGGTTCAAAGGG
AAAGCGATTCTGCATGCCCAATGGAAGAGTGATGATCCATCAACCACTTGGAACAGCTGGAGGAAAAGCAAC
AGAGATGAGCATACGGATACGAGAAATGGCGTATCACAAGATTAAGCTAAACAAGATTTTTTCTAGAATCACT
GGAAAGCCATTAGAGCAGATTGAATTGGATACAGATCGTGATAATTTTATGAATCCTTGGGAAGCTAAGGAG
TATGGTTTGATCGATGAAGTTATCGATGACGGGAAGCCTGGACTTATTGCTCCAATTGCAGAGGCAACTCCTC
CACCGAAAACCTCGAGTCTGGGATCTATGGAAGGTTGAAGGGAGTCGAAAAGCCAAGAAGAATTTGCCTTCAG
AAAGCAAGATTTTGAAGAATGGATATCAAGGGGGTGAAGGAAGTGACGAAGAGCGTGGTAGCCAGCAGGA
AACAGAAGAACCAAGTCTGTATGACGCAGGACTCACCTGTTCTTCTTCTCCTCCTCCTCTGCCTCTATTG
TTGTATCTAGCTTGTTCTTTCCATTCTAAAATAGTTGTTTCTCTGTAAGATCTTAAGGCGATTATTACCAATTTG
TTAAACACGCCTAGGTTATGGAAAATTCAAGGGTCATAACATTCCCTTTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_669 HM122706|Malus x domestica TLP domain class transcription factor (TLP5) mRNA,
complete cds

TGTATCATGGACGCTATTCCCGCTTCAGCAGTTGAACTTGGAGGAGTGGCTCCACGCCAACTGAGCTTTCTTT
GAGCAACGTGGAATTGTTCCCTTCTTTCCCTTCTTAAGGTCAAAATCAAATGCTGATAGCTTGCTTTCTGAGC
CTTTAGGGAGTCAGAAAGATGGAATGTTGGTGCTGAGAAACAAAACACCCAGATGGCAGCAGCAGCTTCAGT
GCTGGTGTCTGAACTTTCATGGAAGAGTGACAATTGCTTCTGTAAAAAATTTCAACTAGTTGCTTCTCCCGAA
AATGATCCTCCTACAGCAGAAAACGAGAAGATCATCCTTCAGTTTGGAAAAGTGGGGAAGGATTTATTCACAA
TGGATTATCGTTACCCAATCTCCGCTTTCAGGCTTTCGCAATCTGCCTCAGCAGTTTCGACACCAAGATTGCTT
GTGAATGACAGAACACATCATTTAACAGGGAAAAGTTCTACCATTGGCTTCTAGCAATAAAAGTCGTTTATAAA
TGGTAAGTTAACGCAACGTGATAGCGGAACGAGGGCTATGTTCCAGAACTCGTAGGAAGTTGCTTCTTTCGTG
GTGGTTTCTTTCAGCGGTTACTTTTTTGGGGTTTGTTTTGAGGGAAATGAATCGCAGAGGAACTTGCAGAAA
ATTAAGGACTTTTTATTTGATTGTAATATGTATATTTCTTCAAGTTTGGGTAAATAATGTTTTTTTTTTCTTTT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGG
GGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTTAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCGGCCCCCTTCCCCCA
AAGGGGGGGTTTTTACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTAAACCCCTGGGGGGGGGAAAACCGGGGGTTTC
CCCATTTTTACCCCTTGGGAACACCCCCCTTCCCCCGGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCCTCCCC
CCCTCCCAAATTTTCCCCCTAAAGGGGGAAGGGACCCCCCTGTTGCCCCCTTTAAACCGGGGGGGGGG
GGGGGTTTCCCCAAGGGGGGCCCTTATTTTTTCGGCCCCCTAGCCCCCTTTTTTTTTTCTCCTTTTTTT
TCCCCGTTTTGGGGTTTT

>trans_s_670 NM_129269|Arabidopsis thaliana peroxidase 21 (PER21) (P21) (PRXR5) (AT2G37130)
mRNA, complete cds

AACTAAAACCAAGCTTCAAAAGCTCAACAATGGCGGCCAATAACCATTGAGCTTTCTTCTTCTTCTTCTT
CTTCTCGCTCTTTTTCAGCTCTTTAATCCAGGAAGGGGGCAATTGGAAATGAATTATTATGCAAAAAGTTGTCC
AAAAGCTGAAGAAATTATAAAGCAGCAAGTCGTTGATCTTTACTATGAACATGGAAACACTGCTGTTTCGTGG
CTCAGAAATCTCTTCCATGATTGCATTGTTAAGTCTTGTGATGCATCACTGCTATTGGAGACGGTGGTGGGAGT
GGAATCAGAGAAAGATTCAAGCAGAAGTTTTGGAATGAGAAATTTCAAATATGTAAATAAGATCAAAGCTGC
TGTTGAAAAAGAATGTCCTCCCACTGTTTCTTGTGCTGACATCGTTGCTCTCTCCGCTAGAGATGGCATAGTTA
TGTTAAAGGGGCCTCATATAGATTTGAAAACCGGGAGAAAAGACAGCAAAATGAGTTATTCAAATATGGTTG
AAGAGTTGGTTCACAGCACAATGAATCTCTTGTAATGTTCTCTCTCGCTTAACTCCATTGGTATTGATACCG
AAGCAACCGTCGCTCTTTAGGAGCTCATTAGTCGGTCGAGTTCACTGCGTAAACTTAGTAGAAAGACTATAT
CCAACGGCCGATCCTACCATTGATCCAGAATATGCCAAATACCTAAAGATGCGATGTCCAACACCAACTCCTGA
TCCAACGCAGTGTTGTATTCAAGAAATGACCGTAAACTCCTATGGTTCTCGATAACATGTACTATAGTAACA
TACTAAACACAAAGGATTGCTCATAGTGACCAAGAATTGGCTTCTAATCCTTTAACGTTACCTTATGTCAAG
AAATTTGCTGCCGATAATGTCTATTTTCATGCACAATTCTCAAGGGGCATTGCTTTGTTATCAGAAAATAATCCT
CTCACCGGAGATCAAGGAGAGATTAGGAAAGATTGTCGCTTTGTTAATAAGTAAACTCAATTAATTGAGTTT
GCTTATGGGATTATATTGTAAAGAATAAACAAAAAATGATGCTTTGGGGTTGCTTTTACAAGTCTTCAATTG
TGTAATTGTGATGTAACTTTTCATCTTCTATGCATATTGGGTTTTTACCATTCCAAAAAAGGAATGAGTTAAAA
GTAGTTTTGTTTTTGTTCATCCCGAGTTTAGTATTTGACGAATCGTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_671 AY207316|Gossypium hirsutum MAP kinase-like protein mRNA, complete cds

AAGAGAAAAACCAACTAAACGGAACACAAAGAGAGATAGAAGTTTTTTTTTCGCTCCGTTTCTTCGGAGATTT
TCCCTTCGGCATCAACCCCAAAGCTGGGGTTAGCTGTATCGAGAATCAAGGTTATGCATGTGAGGACTAGGA
GTATACTTGGTGCAATTTCTTTGGGATTCAACCGCCAGCTCTAAATTTATATGATGCCAGCTGAAAACCTCAATTC
CATATGATCGAGATGCAGAGCCCTTTGTTGAGGTCGATCCAACCTGGAAGGTTTGGACGATATGATGATCTTCT
TGGGTCTGGAGCCGTAAAGAAAGTTTATAGGGCATTGATCAGGAGGAAGGAATAGAGGTTGCTTGGAAATCA
AGTTGATTGAGAAATTTTAGTGGGGACCCAGTGTTTCATCAACCGTTTGAGATCTGAGGTTTCAGCTGCTGAGC
ACTTTGAACAACAAATATATCATTGTTTGTTACAGTGTTTGGAAATGATGATGAGCATAATACGTTGAATTTTAT
CACCGAGGTGTGCACATCAGGAAATCTAAGGGATTATCGTAAGAAACATCGACATGTGTCAATTAAGGCCTTG
AAAAATGGTCAAAGCAAGTACTCGAGGGATTGGATTATCTTCATACTCATGAGCCTTGCATTATTCACAGAG
ACCTCAATTGCAGTAACATTTTTGTCAATGCGAATATTGGCCAGGTTAAATAGGTGATCTAGGGTTTGCAGCT
ATAGTTGGCAGGAGCCATGCTGCACATTCAATCATAGGCACACCCGAGTATATGGCACCAGAGCTGTATGAG
GAAGACTACACAGAGATGGTGGATATATACTCCTTTGCAATGTGTTTGCTCGAGATGGTTACTATGGAGATAC
CATACAGTGAATGCGATAGTGTTGCCAAGATATACAAGAAGGTAACAACCTGGAATTAAGCCCCAAGCAATAA
CAAAAGTAACTGATGATGAAGTCAGAGCTTTCATTGAGAAGTGCAATGCGCAGCCAAGAGCAAGACCTTCCG
CCTCTGAATTTCTCAAGGATCCCTTCTTCGATGAAGTCAGAGACGAAGATTCTGAACAGACTTCATAAAGACA
GGGTACTACTACCAAGTACTGACTGACGAACACAAAAAACTAAAAGTATATGGTACTCTTTTACCTACTGCAT
TTCAGTGTGAATTGATTTCTAGTTCGATTGACTTGGCGTCAATGAAATGAAATCTTCTATTTCCTACTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_672 NM_106680|Arabidopsis thaliana sulfate transmembrane transporter (AT1G80310)
mRNA, complete cds

CGATTGAAAGCGAAGTTAATGAAGACGCCAAACCTGAAACAAGTTCAGATATGGAGGTTGTGGAAGCGAGAT
CCCTGGGAGATATTCATGATGCAGTGTTGCAAGCGTTGAAAGGAATATTGATGAACTAGGATCTAGTTCTGA
CAGCTCAGAAACCAAATCGGATATACCAATGCTTGAAGCAAAATCACTTGATGATATCAGCTTTGCTTTTAGGC
AACTCCACGAAGGAGTTGGCGTGGAGGACGTCATTCTTCCAGTATGGTTAATAACCAAGTTACTGGAAAAGC
CAAGCCTGAAACAAGTTCGGATTTGGAATTCGTTGAAGCAAGATCTTGGGAGATATACATGTTGCTTTGATG
CAACTCTCCGAGAAAAACATAGGTGAATCAGGTTCTAGTTCCAATCCCACTGAAACTAAATCAGATATACCAAT
TCTTGAAGCAAGATCACTTGATGATATCAACTTAGCTTTTAGGCAACTCCATGAAGGAGTAGATGTGGGAGGA
TGTCATCCTTCCAGTGCGATCAAAAGCCAGGTTGAAGAAGAAGCCAAAACCTGAAACAAATTCAGATATGGA
AGTCGTTGAAGCAAGATCACTGGGAGATATTCATGTTGCCTTGATGCAATCCCCAGAGAAAAACTTGAATGAA
CATCCAGAAAAGTTCTATGTCAAATGTTCCATCAGAGGGATTAGAACCAGCTGGAGTGGATTCTATCATTGAGA
TTGCCTCATCTAATGCGACCAATGCCGATAAACCAGCTGCAGATACAGTTGATGAATCTGTAGATCCAAATGTT
TCTGCTTCCAAAACCGATGCCGATAAATTAGCAGCTGATACAGTTGATGAAAAATCTGTAGATCCAAACGTTTC
TGCTTCCAAAACCAAAGACAAGAAGGAAAAAGTCTGGAAAATCTTCTGGATCCAGCTCCAGCTCAAGCTCTAGT
GATTCTGATTGAGATTGGAAAGTCTAAGAGGTAAAAGTAGTAGAATCATGTGGAGTTTCCTTTTGGGGTTTCC
TCTTCAGTCTTCATTCAAGATTTTCTTTTCCAAAATTTTCTTTTGGGTTTGGTTTCCAGTTTGGTCACCTTA
TTCTTTGTTTACAGTGCAATCTTTTGAAAAATGAGTTGTGGCTTGATTTCTTGTAAATTGTGCAAGTTTCCAGGAT
CCCCATCCACCCCTTAAGAGTTTGAAGTTTGAGGGAGAAAAGTGGTTTTTTTTTCTACTGTTTTTTTTTGTTA
AACCTGTATGTAAAA

>trans_s_673 NM_120030|Arabidopsis thaliana 1-phosphatidylinositol phosphodiesterase-related
(AT4G38690) mRNA, complete cds

AAAATCTCATTTCAAAAGAACAACATCCATCGGAAAGTTCGGAAAAACAACATGGGTTCTCAAGTATCCA
AACAAGTGGAACGCCGGAAGTCCATTAAACACGGAGAAGAAGGTTCTAGCCGACCTCCGAATAAACGCCGGCG
AAGATTTCCCGGTTCCGATTACCGGCCACCCGACAGAAAGAACTGGATGTCAAATCTCGGCATCGAAAGAAC
CCGCGTGAACCAAATCGTATGGCCAGGGACTCACGACTCCGCCACCAACGTCATCGGAATACCTTTCATCACC
CGTCCTTTCGCCCAGTGTCAATCACTCTCATTACGAACAGCTCGTGTTAGGCACGCGCTCCTCGACATTCTG
AATCCAAGAAAATCGTTTAGTCTGCCATGGGATCCTCTCAACCTACAGCGTCGACGTCGTTTTTCGCCGATATAA
AGAAATTCCTGGCCGAAACCAATCCGAAATCGTAATCCTCGAGATCCGAACAGAGTTTGCCATGAAGATCC
GCCGGATTCGACAAGTACATTGTTGAACAAATCGGGGAGTTTTTGATTCACAACGATGATCGGGTGTTTGAG
AAGACGATTGCGGAATTGTTGCCGAAGAGAGTGATTTGTATTTGGAAACCCAGGAAATCGCCGGCGCCAAAG
GCAGGAGATCCGTTGTGGGGAGGTGGGTATTTGAAGGATAATTGGATTGATACGGATCTGCCGTCAACGAAG
TTTGAGAGTAACTTGAAATTCCTTGTCGGAGCAACCACCGGTGACGAAGAGGAAATACTTTTACAGAGTGGAG
AATACGGTGACGCCGAAAGCGGATAATCCTATATTGTGTGTGAAACCGGTGACGAGAAGGATTCTATAATTT
GCTCGGTTGTTTTATTAATCAAAGCTTTGCGAAAGGAGTGCCGATAAATTGCAAGTTTTGTGACGGACTTCA
TTGATGGGGATTTTGTGATGCTTGTGTTGGACTCACAAGTGCAAGAATTGAAGGGAAGGCCTAAATTTTTTC
TTTTTTTTTCTTTTTTCTAAATTTTAAAATTGAAATTAAAATTTGTGTTTTATGTTTTGTTTATGATCAATGTGT
GTAAGTGTTTGTTTGTTTGTTGATTATCTGGGTATGTTTAACTTAAATTGTGAGAAAAATAAGGGTATAGTTATT
TGTAATTAATTAGGGTAATTATGTTATGCCTATAATTAAGGAGCTTTTGATTTTGTGTTTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_674 AF195029|Glycine max plasma membrane Ca²⁺-ATPase (SCA2) mRNA, complete cds

AACACACTCTTGTAAGCACTTACGAACCACTTTCAAGAGGTTGTTGCAGTTACTGGTGATGGAACGAATGA
TGCTCCGGCACTTCATGAAGCAGATATTGGATTAGCTATGGGCATTGCTGGGACTGAGGTAGCAAAAGAGAG
TGCTGATGTAATAATTCTCGACGACAACTTCTCTACAATTGCAACTGTTGCCGAATGGGGGCGTTCAGTCTACA

TAAATATCCAAAAGTTTGTCCAGTTTCAGCTAACAGTGAATGTGGTTGCACTTCTCGTCAATTTTTCTTCGGCCT
GTTTGACAGGAAATGCTCCCCTTACTGCTGTGCAACTGCTTTGGGTCAACATGATAATGGACACACTCGGAGC
TCTTGCAATTGGCAACCGAGCCTCCTACTGATGACTTGATGAAGAGATTACCAGTTGGTCGGAAAGGGAATTC
ATTAGCAATGTGATGTGGAGAAATATCTTAGGGCAGTCAGTATATCAGTTTGTAAAGTTTGGTATCTCCAGA
CACGAGGACAGGCTCTTTTTCATCTTGATGGCCCGGACTCTGGATTGATACTGAATACACTGATTTTCAATGCA
TTCGTCTTTTGTGAGGTTTTTAATGAGATAAGCTCAAGAGACATGGAAAAGATAAACGTGTTTGAAGGAATAT
TGAAGAACCACGTCTTTGTGCGCGTGCTTGCTTGACCGTCCTTTTCAGATCATAATCATCCAGTTCCTGGGA
ACATTTGCAAACACATATCCTCTAACTACCAGCAATGGTTTGTCACTGTGTTATTTGGATTCTTGGCATGCCA
ATTGCAGCAGCTTTGAAGATGATTCCGGTTGGATCAGAGTGAAAACAGCATCTTCCTAACTTGGAAAAGTTTCG
ATTAGACAACCTATTCTCTTCCCAATTTTTTGGGGTATTACCTCACAAATTTGAACTTCACCTCAATCAGTTAAC
AAAAAGCTTGAGGTAAGCATAACCTTGTGCAACAGAAGTTGAAGACCTTTTCTGTATATTTTTAGTCCCTCTCT
AGAGTTGCCTACCAACAATTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTCAAAGGAAGCTTTATAGGACAT
CAGTTTTTGGATCATCAAAGGTCCTCTTACTAAATATGCTTGTATTTATAACTCATTTCTTTGATTTATTACTT
GTTATTTTGTGTTACAACATTGTGGCTCTGATTTCCGATCAACAATTTTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_675 DQ234265|Glycine max salt-tolerance protein mRNA, complete cds

ATTTCCCTGAATCCTCAACCCTTATCCCCTCACCCACCCTTCTCTTCTCTTCAATCCTCCACCTTTTACTTCTCT
TTCTCTATCCCCTTCTTCTCCATTCTTATTCTCTAATACCCACTTTTCTCTTCTTCTTCCCTTCCATCTCTCCGGC
GCCACTGTTCTACTGGCGGTTTAATTTTCATGGGTTCTTTTTGATCTCGGAGTAGGAAACAGGGAAGTGGAGTT
TCGGCGAATCTATTCAAAATCTTAGTGGTTGTTGAGAGGGAGAAGATGAAAAATCAGTGTGATGTTTGTGAGA
AAGCTCCTGCTACTGTGATTTGTTGTGCGGATGAAGCTGCGCTTTGTGCGAAATGTGATGTTGAAGTTCATGC
TGCCAATAAGCTTGCGAGTAAACACCAGAGGCTTCTTCTCAGTGTCTTCCACCAAGCTACCTAAATGCGATA
TATGCCAAGACAAGGCAGCTTTTCATTTTCTGTGTTGAAGACAGAGCACTCTTTGTCAAGATTGTGATGAACCA
ATTCACTCAAGTGGTAGTCTTTCAGCAAACCACCAGAGGTTCTAGCCACTGGAATCAGAGTGGCCATGAGCT
CAAGCTGCACGAAGGACGTTGACAAGGTCAAGATGGAACCTCCAAATCCAAAGAACCCTCAGGTTCTTGCTA
AAGTGCCTTCACAACAAGTTCCTAACTTCACGTCCTCATGGGCTGTTGATGACTTTCTCCACTTCTCTGATCTTG
AGTCCTCCGATAAGCAGAAGGAACAATAAGTTTGGGGAATTAGAATGGCTAGCAGAAATGGGCCTCTTTG
GCGAGCAAGTTCCTCAAGAAGCTTTAGCAGCTGCTGAAGTTCCTGAGCTTCTACATCACACTCAGGTAATGC
AATTGCCTGCAGACCAACGAAGTCAAGCACATCATACAAAAGCCTAGGATTGAGATGGTCGACGACGAAGA
GTTTTTTACGGTTCCTGATCTTGGATGAACAGAAGAGAGAGGCGTTGATGTTGAGTTGGTATGCTTAATGAAT
AATAATACAGTTTTATAACCTTACAAAATGTGTATGTATGTAGTGTTTTCAACATCTATGGTTTGATAGTATGCA
GTATATTAGTCTTCTTTTATCTTATGCCTAGAATATATTCGTTCACTCCTCCTGGTTACTTTTGCTTTTGTATCTTA
TTAACCTTATTGTAACCTTTGAATCTTATATGAAAGATTATTTTAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_676 XM_002300936|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC030),
mRNA

TTTTGAACCCTCCCAATTCTCCCCCTCCATCAAATAACGACAACTCCCACCCAAATCAATTTTTCTGAGAACC
GAAAAGAAGATATGACAACCCACTTGACTCACCTTCCCCCGGTTTCCGCTTTCATCCAACCGACGAGGAGCTT
GTTATGCACTATCTCTGCCGTAGATGCGCATCCAGCCGATTGCCGTTCCCATCATGCTGAGATCGATCTCTA
TAAATTCGATCCATGGGACCTTCCTGAATTGGCCTTACACGGAGAGAAAGAGTGGTATTTCTTCTCTCCAAGG
GAGCGGAAATATCCAAACGGTTCACGACCCAACCGGGCAGCCGTTTCGGGTTATTGGAAGGCAACCGGAGC
GGACAAGCCTATTGGGCATCCCAAACCCGTTGGCATCAAGAAGGCCTTGGTTTTCTACGCCGAAAAGCTCCA

AGAGGAGAGAAAAACCAATTGGATTATGCATGAGTACCGGCTCGCCGATGTGGACCGCTCGGCTCGCAACAAG
AACAACTCTTAAGCTTGACGATTGGGTTCTGTGCCGGATTTACAACAAGAAAGGTGTAATCGAGAAGCGATGTC
AGATGGCAATCAGTCGAAACACGAAGGGTTTGAAGACGTAGAAGAGGAGAAGCCGAAGATTTTCAACAGT
GGAGGCGGCGGCCGATGTGTTAATGGCGTCAGTCACGGCGTCTGGTAGGTGATTACGTACATTTCGAAACA
TCGGATTCAATACCGCGATTACATACAGATTCAAGCGTTTCGGAGCAGGTGGTGTGCCGGAGTTGACGACG
GGGGAAGTTGAAAGCGAGAGAAAAATGGAAGGAAATGGAAAACGCGTTTAATTCCGGATATAATTACATAGA
TGAGTCATCGCTAGAGCATGAATTCGCGACGCAATTTCATAGCGGTAATCAGATGTGCCGCTGCAGGATATG
TTCATGTACCTGCAGAAGCCCTTCTGAAATTTGAACTAACCGCCCTCAGATTAGATCCAATGATTTTCATTTG
TTTTCTTCATCGTCGATCCATCACACAAGTCCTTCCAACCTTCAAATTTCTAACAGCCGTTGATGGTGTCTCATCA
CTCAATCCACGGTCGCACGAGACTGGAGTCTGTGAGTGCGCCGCCACGTGTATAGAGTAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGAAGAAGTAATAGTCATACTTAGGGGATGCAGAGACAAAGACGAGGAGAGGAGAGTATAGTTA
GTTAGTTTATTGTAGGAGGGGGGGGGG

>trans_s_677 XM_002893592|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata coatomer protein epsilon subunit
family protein, mRNA

AAATTTTGGTTAAACGTTCAATTGCTTCGTCGGTCTCCTCTCTTTTATCTCTCGCGTCTGCTGGATTAGATCTA
GAAGAAGGAAGTTGGACGAAGAAGAGTAAAACCATGGCAGCACCAGATCATTTGTTCAATCTCAGAAATAAC
TTCTATTTGGGTGCGTATCAGGCAGCCATTAACAACAGTGATCTCCCAATCTCTCCCCGATGACGCAATCGA
GAGGGATTCCATTGTTTTCCGCTCTTACATTGCCCTTGGCAGTTATCAGCTAGCGATCAGCGAGATCGATTCAT
CCGCCCCGACGCCTCTTCAAGCCGTCAAATTGCTCGCTCTGTATCTGTCTGATCCCAGCAACAAGGAATCTACC
ATCGCGAGTCTACAGGAATGGCTATCAGATCCAGCCATTGGAAACAATCCTACTTTGAGGCTAATTGCCGGAA
TCATATTCATGCATGAGCAAGATTATAATGAAGCCTTGAACACACAAATGCTGGAGGAACCATGGAATTGCA
TGCGCTGAATGTTCAAATATTTCTTAAGATGCACAGGTCAGATTATGCAGAGAGACAGCTGCGAGTCATGCAA
CAGATTGATGAGGATCACACATTAACACAACCTTGCAAATGCTTGGTTAAATCTAGCAGTGGGTGGTTCCAAGA
TACAAGAAGCATATCTCATCTTCCAAGATTTCTCCGAAAAGTATCCCATGACAAGCTTGATTTTGAATGGAAGG
GCAGTCTGCTGCATGCATATGGGAACTTTGATGAAGCCGAGACACTTCTTCTGAAGCACTGAACAAGGATG
CAAAAGATCCCGAACTCTGGCCAATTTAGTTGTATGCAATCTTACCTTGGCAAACCAACTTCTCGTTTTCTCA
GCCAATTGAACTTTTCGCATCCCGACCACATGCTTGTCAAACGCATCTCGACTGCTGAAGAAAACCTTTGATAGA
GCTGTTCAATCTGTTGCTTAGAGAACCCCTTGCTGCCTTCGAAAGATGATGAATGATGTTTACTAGTGTTAAAC
GACAGTTGGTCTTCAACCTGTGGCCGTTCACTGCCAAGGGGCTGTTGATTTTGCTCAAGTTATTTGGCTATTGA
ATATCAAATCCGACCAAATGTTTGACATTAGAAATTATAACGCATAATCCTGGTCATTTTTGTACTGAGCTTCC
TGGATGGTGATCCATACTTATTCTTTACCATTCTCATTTGTTTAAGCCCTTGGTAAAGACGATGGCCTTTTCAT
TTTCACTGGT

>trans_s_678 NM_117312|Arabidopsis thaliana SKU5; copper ion binding / oxidoreductase (SKU5)
mRNA, complete cds

TTACATTGTAGCTAGTGCTCGGTTTGTCAATGAATCACTTTGGAAAAGAGTTACAGGTGTTGCTATCTTGCATT
ACTCTAATTCAAAGGAAAGGCAATTGGCCCTCTTCCAGAAGCACCAAATGATGAGTTTGACAAAACCTTTCTCA
ATGAACCAGGCAAGATCAATCAGATGGAATGTATCCGCTAGTGGTGCTCGTCCCAATCCTCAAGGATCATTCA
GATATGGCTCAATCAATGTAAGTATGTTTATGTCTTGAAAAATAAGCCTCCTGTGTCAATCAATGGTAAAAATG
CGAACGACGCTCAGTGAATCTCATTTGTTAATCCATCTACACCAATCAGATTGGCTGACCAATTCAAATTA
GGGTGTTTATAAGCTCGACTTCCCCACTAGGCCACTTACAGGACCACCAAAGGCAGAGACATCAGTGATTAAT
GGAACATATAGAGGGTTTATGGAGGTTTACTGCAGAATAACGACACCAAGATGCAGAGCTATCACATGAAT
GGATACGCCTTCTTGTGCTGGGGATGGACTATGGCGAGTGGACTGAGAATAGCAGAGGTACATACAATAAA

TGGGATGGAATTGCTCGCTCAACAATTCAGGTTTATCCTGGAGCATGGACTGCCATCTTGGTATCTCTTGATAA
CGTGGGAGTATGGAACATCAGGACAGAGAATCTCGACTCGTGGTATCTTGGGCAAGAGACGTATGTTCCGGT
TGTCATCCTGAGGCTACTAACAAAACAGAACTGCCTATGCCAGACAATGCTCTCTTTTGTGGCCAGCTTAGTA
AATTACAAAAGCCTCAAGATATCTCTTCTGCAACTTCAATCACGGGCGATAGATTGAAGATGTTATCACTCTG
CTGATGATGATCTCCACTTTAATCTCTGCTTTCGCTAAGTAGCACCGTTGCTCTATGGCTGCTCGTGTTACGTA
AGTTGTCAAAAATGTCGGGCGTCGTCTCCGTAAGGTTTGTGGTTGAGTGTGTAGGTCTGTATAAGTCTTGTGG
ATACCCAATTTTTTCATGATTTTTGCATAGCATTTTTTTTTCCCACATGCTGCAAGCTGTAGAAGATGTATCTTG
GTTTTCATAGTTCATTAGATTTGGATTAATCATTCTTTAATTCTCGAGTCATGATACCAACTGTCCCATTAAAC
GATTCATCGATGTTCAATTCAACTGCTTCTCACGTGTCGTTTATCATCGTATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_679 NM_001054260|Oryza sativa Japonica Group Os02g0676500 (Os02g0676500)
mRNA, complete cds

ACACCACTTTTGATTGCAATTCCACTCTCTCAGTGATTCCAATTTAAACTGTATTATATTGGTGGGGTTTCTT
GAGTTTCTCTCTCAATCTCAATCCAAAGTCCAAAATTTTCAAATGGGTCTCTCCTTTTCTGTTTTGCCAATTC
CCAATCCCTCCACCATGGATTCAATCTTTTTCTCTGGGATTTTACACTCTCTCCACAATAAAACAGTCACTATC
TGATATCGACACCCACCAGTTGATTAACTTTAGTTATACTTCCCACTTCCGTGCAAATTAATTCAAAATTTAG
CCTCTTTTTGCCTTTCCTCAGTTGGGTTCTAGCGTTTTCTTGAAATGATTCATCATGGGAATCAAATTCGTTTTG
GTTTTGGCGTGGATGGGATTGGAATTCCTCAGATGTTGAAGCTGCCAAAGTTAGCACGATTTTAGTTGGCAA
TAGAAGACACTGTTGAATTGTGGAACTGTTTTATTGGGAAAAATTTGAGTTTCGATTGGTGTAGAAGAGAA
ATTTTGAGTTGAGGAGAAAAGGGTTTTGTAGAATGATGTCTTCGGGAGTGAATTTGGTGATGACAGTGATT
GGGTTCACTGTGAGCACTTTGTTTCATCGTGTTCGTTGTACAAGGCTTGTGTGCTAGGATTCATCCCAATGC
TTCAAGGCGCTCCTTCCCAATCGCTTCTAGATCCGATCTCAGTGGGTTGGAACGGGGATTACACGGTGTAGAG
CCTATGGTTGTAGCCAACTTTCCAATAAGAAGTATAATGATGATTACTTCTCGTCTATGAGAAATGCTCAATG
CACAGTTTGCTTGGCAGATTATCATAGTGAAGACTTATTGCGCATTCTCCCCTACTGTGGACACTCCTTCCACGT
GAACTGCATAGACATATGGCTGCATCAGCACTCAACATGCCCGGTTTGTGCTCTATCGCTACGCGAGGTCCAA
GACAAGAAACGAACAATGCAACCCTTGTTAGCTCAGCAATTCGCTCTCTCAACTCAGATCCCTGCCGCGGGTT
CCCATTAAGAGACCTTGAAAACAATGGGTTGGAACAACCAATCCAAGAGAATCACTACACACCTGGGGCTAAT
GGAGCAGTGGATCCAATAGAGAACGCTTCCCCATTTATCGAAGGTAACCAGAATAGTAAAGGCTGTAGAAAC
AAAAATGTAGAAAGTCCATCAAATGCTTGAGCATCTCTGATAGGACACTGGACCCGATCATATAGAACCGTGT
CCAAACT

>trans_s_680 NM_001050437|Oryza sativa Japonica Group Os01g0686000 (Os01g0686000)
mRNA, partial cds

GGAATCCATTTCTCTCTCTCTTTTTCTTCTCCCTATTTCTTCCCTCAACATTCATCATCATCGTCGTCATCATCT
CATGGGGAATTACATTTCTTGCGCCTTAGCAACGCCCTTGATCAAGAATCCAAGGCCGTGAGGGTCGTTCTTC
CCGGCGGCGAGGTCCGGCAGTTCGGGACTCGGTGAAGGCGGCGGAGCTCATGCTCGAATCTCCAGTCACT
TTCTCGAAACGCCCAATCTCTCCACATCGGTCGCCGATTCTCCGCCCTCGCCGCCGACGAGGAGTTGGAATTC
GGAAACGTCTACCTAATGTTCCGATGAAGAGAGTTAACTCCGTTGTACAGCGGCGGATTTAGCCACGTTCT
TCATGGCAGCCAACCTCTGCAGCCAGACGATTTTCGAGCGCTCTATAAGGGTTTTACATGAGAATCGGAATCT
TCGAGAATCGGAAGCGATGCCGAGAATTAGCGATGGAAATGAAGGACCGAGGTTGAGTTTGAAGGAGTTG
AGGGATTTCCGATGCATCGATTATCGGTTTGCCGGTCAAGAAAGCCATTGTTGGAGACTATTAAAGAAGAACA
GATTAGGTCAAGATAGGTAGGGAAATTTCAATAGATTGTAATGAACTCCAACCTCAATTTCTCTGATCTGATT
TGATATGATATGATCTCGATATCTATTTTTTTTTTTTAAAGAAGATGATGAATTCTCGATGGGGGATTGAAAT

TTCATATGAGCTGAAGTTATTTAATGGCGAAACGACGCCGTTTTCGCGCTTCTCCTCTATTCCCATTTTTTTTTCAC
CATTAGCCTCAAATTA AAACTAAATTACCAATTTATTGTGATTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCGAAAAATTTACAAACCCCCCACCCCGGGGGGGGGGGCCCGGGCCC
CATTTCCCCCTAAAGGGGGGCTAATTACCCCCCCCCCGGGCCGCTTTTTAAACCCCGGGGGGGGGGAAAAAC
CCGGGGGTTCCCCAATTTAATCCCCTTGAACAACCCCCCTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGGGCCC
CCCCCTTCCCCCTCCCAAATTTGCCCCCCTGAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGGACGGCCCCATTAAG
CCGGGGGGGGGGGGGGGG

>trans_s_681 NM_001054922|Oryza sativa Japonica Group Os02g0796300 (Os02g0796300)
mRNA, complete cds

AGGGCGGGTCTGAAGCGGAGCTCTCATCCCCATTTGTTTGTGTGCTCCATTGCCTCTCCGTCCAACACTTCTCTG
CTTTTAAAGATCTCTCTGTTTCAATACCTTCAAGGTTAGATCCCCTTCTCCTCACTCTTGGAGGGGGTTTTTCCCC
CCATTTCTTCCCCTATTTCTTTTCTTTTATCATCTAGGGTTCTATCCATCCTCACTCTCTTTCTTCTGCTTCAC
TCCCCCCCCCTGATCTTCCAGATCCAACAAGATTTCAATTCTTCTGACGGCCCCACGTTACCCCTCAAGGGC
CAAACCCCCAACCCCTTTCTCGGTTCCCTTTATTTTCCCCATTTATTGTTCTTGGGGGGTTTTCTTTCAATTGCC
ATTTTCTTGGGTTTGTGACATTCGAGGTATGTCGATTTTCCGAAAGGTGAATCGATTAATATCCGTGAGGTG
TGGAACGATAATTTGGAGGAAGAATTTGCTCTTATACGTGATATTGTCGACCAGTTTAACTACATAGCGATGG
ACACCGAGTTCCTGGCGTGGTTGTTGCCCTGTGGGTCTTTTAAAGAATATTAACGAGTATAACTACCGAACC
CTCAGAGAGAATGTCGATACCTTAAAGTTGATTCAATTGGGTCTTACGTTTTCTGATGAGAATGGGAATCTCCC
AACTTGGAACAGATAAGTTTTGTATTTGGCAGTTCAATTTCCGCGAGTTCAATATTTGTGATGATATATATG
CAAGTGATTCCATTGAGCTTTTGC GCGAGTGTGGTATTGATTTCCAGAAGACCCATGAGGAGGGAATTGATGT
CAATCGTTTTGGTGAGCTTCTCATGTCTGCGGATTGTGTTAAACGATAATATTTTTGGGTGACGTTCCACA
GCGGGTATGATTTGGATACTTGTGAAATTGTTGACTTGCCGAACTTACCAGAGACCCAGGCCGAATTTTTT
GATTTGATCCATATGTACTTCCAATGGTTTATGATATCAAGCATTTGATGAGTTTTGCAACAGTTTCCATGGT
GGGCTGAACAAGCTTGCAGAGTTCTTAGAAGTGGAGAGGATTGGAGTTTGCCATCAAGCAGGATCAGATAGC
CTCCTTACTGCCTGTACTTTCAGGAAGTTGAGGGATACCTTTTTCAATGGTTCTATACAGAAATATGCAGGTGT
TTGTACGGTCTCGGTGTTGAACTGGACAGACTACCAATTGAAGACACTTCTAGTGTTTGTAGCATTGTGA

>trans_s_682 XM_002887527|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At1g75080/F9E10_7, mRNA

ACTCTCCCCGGAATATGACCTCCGACGGCGCCACTTCTGCCTCCAATTGTGCGCGGAAGCCTTCTTGGAGGGA
GCGGGAGAATAATCGGACTAGAGAGCGTCGGAGAAGAGCCATCGCGGCTAAGATTTACTCCGGCCTTAGAG
CTCAGGGTAACTTCAATTTGCCTAAACATTGTGACAATAACGAGGTCCTTAAAGCCCTCTGTGCTGAAGCTGGT
TGGACTGTCGAAGATGACGGAACCACTTATAGGAAGGGATGCAAGCCACCCCGATTGATATTGTTGGCACTT
CAACCAAAATCACCCCTTATTCTTCCCAAAATCCAAGTCCATTGTCTTCTTCTTTCGCCAGTCCTATGGGATCTTA
CCAAGTAAGTCCCTCCTCCTCCTTCCCAGCCCCGTCCTGTTACGATGGCAACAATCCGTGCAATCTCATTCC
TTATCTTCGCCAAGCGATTCCCATTTCACTTCTCCTCTTAGAATCTCAAACAGTGCTCCTGTGACCCCTCCCCTT
TCATCCCAGCCTCAAGGACTCCACAGCCATTCCCCAATTGGGAAGTCAATGCTAAAGAATCCTTCTCCTCCTT
GAATTATCCTTTCTTGTGAGTGTCTGCTCCAGCTAGTCCGACCCGCCCTCAGCTCCATACTCCCGCCCCGATCCA
CAAATGTGACGAATCTGAATCATCTACCAATGATTCCAATCAATGGGCACTTCTCCGTGCCTATGCGCCTTCTG
CATCGACAATGCCAATCTCCCACTTTCAACCTTGTAACCTGCTGACCAGCACGTTCTGCATGGTGGTTTC
ATCAAAGAAAATGGAAGAGGAAACGAATTCGAGTTCTTGGGCTACAAGGTTAAGCCTTGGGAAGGGGAGAA
AATCCACGACGTTGGATTGGAGGATTTAGAGCTCACACTTGGTAGCAGTAAGGCTCGAAGCTAAACGGAAGT
AGAAATGATCTACAAACATAACACAATGTCTGTCTTTGAGGGAGGGAGCTTCATTCATTCATTTCAAGCAAT

GTTTTTCTAGTTTGTATATTACATTACAAGGCATGATTTAGGGAGTCCCAAGTTTATAAAATGTTTCAAGT
CAGCAATTACTATGTAGATAGGTGTAATATATGACGAGAGGGGATTGAACAGTGAAATGAACGCATATTGCT
CTGTTTTCTTATCAAATTTCTGTTTCAATTTAATTCAATTCTTCAATTTGCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAA

>trans_s_683 NM_001067938|Oryza sativa Japonica Group Os08g0266300 (Os08g0266300)
mRNA, complete cds

ACTCACTGTCCATTTCTGCTTATACAATCCCCACAACAATGTCTTCTCTACCTCAACTGGTTAATTCCTTCTCA
GCCATGGCCGCCGCAATTCCTTTACAATCTCTAACCTTCTCTGTTCTCAACTCTCTAAACCCGTTTCTAGAT
TTGGGGCTCGCCGTCTCAGAATCATGGCTGCGGCTACCGGAACTAAGGTGGTGCCTGCCGTGATTGTTGGAA
GTGGCCGCGTTGGGAGGGCGCTTCTGGATATGGGAAACGGCGAAGATGTTTTGGTGAAGAGAGGGCGAGTCG
GTGCCTCTTGATTTTTCGGGTCCGATTCTTGTGTGTACAAGAAATGATGATCTTGAGGCTGTTCTTGAAGCTAC
TCCTCGATCGAGATGGAACGATTTGGTTTTTTCCAGAATGGAATGCTGGACCCTTGGTATGAAAGCAAAGGT
CTAAAGGATGCTAATCAAGTGTTAGCATATTTTGTATCTCAAAGCTCGGAGAGGCTCCAGTGGATGGAATAA
CAGATACCAATCCTGAAGGACTGACAGCAGCGTACGGAAAATGGGCATCTGCCGTAGCAGGAAGGCTCAATG
CTGCAGGCCCTCTCTGTAAGGTTCTTGGTAAGGAAGCATTTGAGAAACAAATGTTGGAGAAGCTGATTTGGAT
TTCTGCATTTATGCTTGTGGAGCACGTATCCAGGTGCCACAGTGGGTGCTGTGGAGAAGGATTATCGCTCT
GAAGTTTCTAGTCTCATTGCAGAACTCGCATGCGCAGCTGCCGCTGAAAGGCAGTTGGTGTTCGAAGAAGGT
ATAGAGGAAAGAATATGTGCATATTCTCGGGCTGTCGCTCACTTCCCGACTGCAATAAAAGAGTTCAAGTGGC
GAAACGGGTGGTTCTATTCTGTCTGAAAAAGCCATTGCTGCAGGAAAACCTGACCCTTGCCCCCTCCATACT
GCTTGGCTTAAGGAGCTGAAGGTTGTCTAGGAATGACCCTGTATTGCTATTAAGTGGATTTCTGTTTCACAAC
CGTTGGCTAATTCAAGTGAAAACGTTTTCTTCTTTGAGAAGTAGATTTTGTACCTATATTCAACCTAATCTA
GGAATCACCTCTTCTGCTGGTGATAGAGGAAGTCATCACCTGTACCATCCTGAATTTATTGACAGAAAAATG
GATCGATAATGTTATGAGATTCAAGGGAAGTGAAAAATAAAAAGGAACTTCAAGTTTACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_684 XM_002317194|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR935), mRNA

ATCTTCTAAAATTAAAGCTGCTCTTGAGGTTCTGATGTCATTGGCTAAACCAAAGGAATGCTATTTAAGAAAAA
CCCCCCCCAACTTGCTGTTGTTGGAGCCAGTGAGAAATCAATGGATGCTTCATCCACAGAACTGCGTCTGGA
AAGTTCCGAGTGCCAAGATTCTACAAACAAAAGCTCTTGCGAATTGGTTAAAAGAGGTGGAGAAAAAGCTAT
AGTCTTTTCTCAATGGACGGGAATGTTAGATTTGCTCGAAGCATGTCTAAAGAACTCCTCCATTGAGTACAGAA
GACTTGATGGTACCATGTGCTAGTACTTGCTAGAGATAAAGCCGTAAAGGATTTTAAACAATCTTCCGGAGGTGTC
AGTTATGATCATGTCTTTGAAAGCTGCTAGCCTTGGTCTAAACATGATTGTTGCCTGCCAGTTCTTCTATTGGA
CCTCTGGTGGAATCCTACAACCTGAAGATCAAGCAATTGATAGAGCACATCGAATTGGGCAAACTCGTCCTGTG
ACAGTGTTGAGATTAACTGTAAGAGACACAGTTGAGGATCGTATTTAGCCCTTCAGCAAAAGAAAAAGAGAG
ATGGTTTCATCTGCCTTTGGAGAAGATGAAGCAGGTGGTCGACAACTCGTCTCACAGTTGAAGACCTGAACT
ACCTTTTTATGATGTGATGATAGTAGATATAACTACAATTATTCTTTGGAATTGGCTGATTTAGTCTAACATCAT
ATGCACATATCATATCGAAGTTTTAGGAGGTGAAGGCTGGCTGCATTGGTTCTAATTTAGAAAGCAAGTTGT
CCCAACCATATTTAGGTTAGATGGCCAACCTTATGTCACTTTGAACAGCAGATTTGACGACACAGCTCCTTTTA
CCAGAAGATTTGTGAATAGCAACTATAGAAAATCTTTGAATCCATTTTGCCCACTCATTCTTTTCTCACTCAC
AATTTGATGATCCCTTTGTGACTTCAGTTTTACATCCCATTCCCTTAGTATATTCCACAGGTTGTAAAGATCAGA
AATTTATAGAAAGGATAGAAGTTTCAATCTGTTAAAAGACTCTTTTCTTTTCCAAGTGTA AAAATATAGATAGT
ATTATTTGCTTATCCCAGCTCTATGGTGTTTGTCTCTTTTTTTTTCTTGTACATAGATTATCATATTTT

TGTAGTAATATTAATTTATTGTTCCATTGGTTGAGGGAAACTGTAAACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_685 AF112444|Lupinus luteus L-asparaginase mRNA, complete cds

AGGTTGCACCAAACCTACTATAAAATTTTCATAATCCTTCTGATCTATAAAACTCTCGCCAATCGCCGGCGGA
TGATCCCAATAATCCTTTAGGGATGGGATGGGCAATTGCTCTTCACGGCGGCGCCGGCGACATCCCCCTCTCG
TTACCATCCGACCGCCGCCAACACGAGAGGAAACCTCCGCCGTTGCCTGCAAATTGGCGTTCAAGCTCTCA
AATCTCAGAAGCCTCCTTTGGATGTTGTTGAACTTGTGGTACGAGAACTCGAAAACGTCCACATTTCAATGCA
GGTAGAGGGTCTGTCTTAACAACCAAGGGAACCGTAGAAATGGAAGCTAGCATCATGGACAGTACGAAGAG
ATGTGGAGCTGTTTCGGGTCTCACCCTGTCGTTAATCCCATATCTTTAGCTAGACTTGTATGGAGAAAACTC
CTCATATATATCTGGCATTGATGGAGCTGAACTTTTGCAAGGGAACAGGGAGTGGAGACCATTGATTCAAG
CTACTTTATCACACCACAGAACATTGAAAGGCTACAACAAGCTAAAGAGGCAAACCGAGTGCAGATTGATTAT
ACGCAACCACTTCCACAAGCCACAGAACAAGAACTGAGAATTCAAATGGTGATAGTCAAATAGGAACTGTT
GGATGTGTGGCTGTTGATAACCATGGAAATTTAGCTTCAGCAACTTCCACTGGTGGATTAGTGAACAAAATGG
TTGGTAAGGATTGGCGACACTCCGGTAATAGGAGCCGGCACATATGCTAACCATCTCTGTGCAATTTCTGCCA
CTGGAAAGGGCGAAGCCATCATACGTAGTACCGTGGCGAGGGATGTGGCAGCTCTAATGGAGTTCAAGGGC
CTGTCTCTAGAAGAAGCAGCTGCCTCTGTTGTTGAAAGTGTTCTAAAGGCAATGTTGGTTTGATCGCCGTATC
TGCCTCTGGTGAAGTTGCGATGCCTTTAATACGACTGGAATGTTTCGAGCTTGTGCAACTGAAGATGGGTAT
TCAGAGATTTCCATATGGTCTTCTAAACATGATTGAAAGAAAAATGTTGTGACAAAGCCATAGCTGAGATTG
GTTATATTTTCTGTTGTTTGATGGTTTGGTGTCTCTCAGCATATGTTGTTCTTCTAAAGACTAAGAATATTCTT
CCAAATGATCTTTGGTTGTTTAAAGTAGTTCTCAATTGTTGTTCAATAAGATTGTTCTTTAATAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_686 AF345342|Arabidopsis thaliana T20G20.6/At2g05590 mRNA, complete cds

TCGTTCTTCCAATTTCTCCGGCCATTTCTCTCCGCCGACACATCTGCTTCATTCCAATTTTCAAGCAAAAAAAG
AAAAGGGGTTGCTGAACCTCCACAAAACCTGAACCCACTAATCTCTTTCTCTTTCTCTATTCTTTCATCACT
CTTACCCATGTTGCGCTTCAAAGACAAAGTTACCTACAGCCTTTCCCGTCTTTTCGCCGATTGCGCCAGATTGAGC
TTCTCGTTCCTCGACTCCACTCCACGGTGACCCTTCTCCAGGCAGCAGGTCAATCTCTAAAGGAGGAAATGCTT
TGTCTTCTACTTTTCTATATTCTCCCGTTCTCGGGTTTTGAAGGACCCAAATCAAACCAACCTCAGAAAAATT
ACAAGCTACATCAACCTCGCCCCGTGCCATATGATATTGTCAATTTTGATTCTCTAGAACCATTAGAGTGCAGT
TAGTGTGTGAAAACAAAGGCATCCGAGACAATGAGGAAGATTTTGATGACTCTGTCTCTGGAAGGAGTACT
AGTAGTTCTGAAGTATTTGAAGAAGCAACTTGCCAAAGTAGTCCGGAAAAGATTGTGACAAATCTCACGGTTG
ATTCTGTTCTGATTTCTCTGACACCTATGATTTCTGCTACAACATCTTCTAATATTGTGAAAGGGCGACAAT
GGATATTGTTATATAGTACATTGAAACATGGCATATCTCTTGAACACTCATTGCAAAAGTGGTGAACTTTCT
GGTCCTTGTTTGCTGGTTGTTGGTGATCAGCAGGGTGCTGTGTTTGGCGGTCTACTAGAATGCCATTGAAGC
CTACTGCAAGAGAAAATACCAAGGAACAAATCAAACCTTTGTCTTTACCACCATGTGTGGTGAACCACAGCT
CTTCAGACCAACCGGAGCAAACCGCTATTTCTACATGTGTATGGATGATTTACTGGCACTTGGTGGTGGCAGT
AACTTCGCATTACGGCTTGAAGAAGATCTATTGAATGGAACCAAGTGGACCATGTGAGACGTTTGGTAACTCAT
GCTTGGCACATACCCAGGAGTTTGAGTTGAAGAATGTTGAGCTCTGGGGTTTTGCCCATGCTTCGCAATATGT
TTCTTGACGAAGATGGGATGGAACATGGAATGTTTGCAGTTTGTGTTACATTAAGTTATTGGCTAAGCACCA
TTTACATTCTCCAATATTCTTTTCATTTTTCACTTTCAACTTTAGATTCTTAGATTCAAATGTCTTTAGTATCTTAT
AA

>trans_s_687 AY821654|Medicago truncatula calcium-dependent protein kinase (CDPK1) mRNA,
complete cds

GAAGTCAGGGCCAGAATCAGATGTCTGGAGTATAGGGGTGATCACATATATTTTACTTTGTGGGAGGCGGCC
TTTCTGGGATAAGACAGAGGACGGCATATTTAAGGAGGTGTTGCGAAACAAGCCTGATTTTCGACGGAAGCC
TTGGCCAAGCATCAGCCCTAGTGCTAAAGATTTTATTAAGAAGTTGCTTGTAAGGATCCCCGAGCGAGATTA
ACTGCTGCCCAGGCCCTATCCCACCGATGGGTAGAGAGGGTGGTGATGCATCGGAAATCCCTATTGATATAT
CCGTTCTGAGTAACATGAGACAATTTGTGAAGTACAGTCGTTTGAAACAATTTGCTTTGAGGGCATTGGCTAG
CACAATTGGTGAAGAAGAGCTTGCTGATCTACGTGATCAATTTGATGCAATCGATGTGGATAAGAATGGCTCC
ATCAGCCTTGAGGAAATGAGACAGGCTCTTGCTAAAGATCTCCCATGGAAATTGAAAGAATCTCGTGTTCTAG
AAATTCTTCAAGCAATTGACGTCAATACCGATGGCCTTGTCGATTTACAGAATTTGTCGCAGCTACATTACAC
GTGCATCAATTAGAGGAACATGACTCTGTAAAGTGGCAGCAGCGGTCACAGGCAGCTTTTGAGAAATTCGAC
ATAGATAAAGATGGATTTATACTCCAGAGGAACTAAGAATGCACACGGGCTTAAAGGGTCCATTGATCCAC
TGCTTGAGGAAGCAGATATTGACAAAGATGGTAAGATAAGCTTATCAGAATTCAGAAGACTTCTAAGAACTG
CAAGTATTAGTTCAAGACCTCATATTTAGACCTTCTAGTCCCCAAATTTCCCCAAAGATGTAGATAAGAATGAA
AAGTTGGGAAAAGATTGATGAGGAGAGAGGGGGATCAAATAACGCAAAAGTCAGTCATCTTTAAGAATTTTT
ACTTGCTGAGAGACCCTAGTTACTCGTTTGATTGTCTTCAATGCCGGGGCTATACGATAACGAGTATTTTTTA
GGACTGTTAATATGTTTTATATAGATATATAGTTTACCTTGATCTGCTTGAAAGCTGCTCCAGTTGGTGTGG
AATGTATTGTAGTCCTTTATGTTGCTGGGGTTTCTTGGTTTGTGCAATGGAAATGGCATATCTGACTACAACT
CTTAAATGAAAAATTTGATGGAATGTATTCCTTGATACCAGTTTGCAGTTTGCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_688 XM_002879977|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aconitase C-terminal domain-
containing protein, mRNA

AAATTTAGGCATTTTACGCAAAGCTAATTACGACATAAAACACCAAAGGAGACCCCGTTGATCTTCACATCT
TCTCGGCCAGAAACGACCATGGCGGCTTCACTGTTTCTGTCTCGAAGCCCTATCGCCATTTCCACTCCCCGATC
TTCACCTTCCGTTTCCCTTCTCTCTTCTCCTCAAACCCTCAAATTCCTTCTTCTTCTTCAATTCCCTCTTTGATCT
ATCCATCGCCGTTTCCACGCGACGCGCGCTTGTCAACTATCATCCCTCGAGCTACCGCTTACCATCCTCCAC
CGCTCCTTCAGCCACCGCATTTACGCGCGCTGCTATGTCGTGCGAGACAACATCGACACTGACCAGATTATTC
CGGCTGAGTACCTAATTTGGTCCCCTCTAATCCCAGCGAATATGAGAAGCTCGGATCCTACGCCCTAATTGGC
CTGCCTTCTTATTCCACACGCTTCGTGGAATCTGACGAAATGAAAACCAAATATTCTATCATAATTGCCGGC
GACAACTTCGGCTGTGGTTCTTACGGGAGCACGCGCCGTTGCGTTGGGAGCGTCCGGCGCCGTGGCTGTA
GTTGCTGAATCTTATGCGCGTATTTTCTTCAAGAACTCCGTGGCAACTGGAGAAATTTATCCATTGGAATCGGA
GACTAGGATTTGTGATGAATGTAAGACCGGCGACGTGGTGACAATTGAGCTCGTGAAAGCCGTTTGATCAA
CCATACTACGGGGAAAGAATACAAGCTTAAGCCTATTGGGGATGCAGGTCCTGTTATCGAAGCAGGTGGAAT
TTTCGCATATGCAAGGAAAACGGGTATGATTTCAAGCTAAACGCATTGAAGTTTTGGGTTCTGTGAGAATTCA
TTGTTGTTTTGTTTCTTAAGTTACTTCTTTGCTTGCTACCGAGCCTAGAATTCTGTAGAAGTGTCTGTCTGGTA
ACGTGTATGAATAAATTAATAACAGACTGAATTAAGGCAGCAAAATGATTGCTTTTGGAATTGAAGTCTG
AGATGAGTCTTGCAATTGTAGCCTTAGCTTCTTAGGAGCAACATTATGTCATAGTTTTATTACAAGTTATGGAA
AGTCTGATATTGGGATGACACATTGTTGAGCATTGAATTTGCTTGTCTTCAAAGTTCTGACCTCCTACTTTGT
TGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_689 DQ306833|Hevea brasiliensis isolate SSH104 mRNA sequence

AAGGAAAATTGAAGAAGAAAAGGACAGCATCGATATTTGAAGTCAGATTAATCAATCATCAAACCTCTTCCTC
TTAAAAATTCGACTTTGTTTGATTCTTGCTAAGGAACCGATTACGCGCACGGAAAATCGATTTTATTTCACTT
CTGATTGTCCGCCGGATCCTTGCTTTTCCGGTCGGAGGATTCTTCATCCTAGGGTTTTGCTTTTGTTGTAATT

ATCTCTTCTCTATTTTCATCCTTTAACCCCAGGATCAACCATCCTTCCGACCCATGTTCAAGTTTTGGGGATCTCA
GGAGGAACAGGTCCGCCCTCCACCAGATGTTTCCACACAATCATGGTATCCACCATCTGTTAGCTCCTCTCGCC
CTGGAACCTCCAGGTAGCACCTCCTCCAACCATCCAGTTCACAAAGGCTTTCTGATAGGCCACAATCTCCATCA
CACGTTTCACCTGCTGAAGCTGCAGGCATTATTTCTGCATTGAAAGACAAAAGTGTGATGAGTTACGAAAGC
TTTTGTGACACAAGGATTCATATAATCAATTTTTCTTTCACTTGACCAGGTCAAATTCAGAACAACTGAGA
GATGAGCTGCGTAAGGAGACTCTTCAGCTTGCTAGTGAGAACTTGAAAAAGGAACACGCATCATGGAACTG
AGAAATCAGTGCAGCATTATTCGGACTACTGAACTGGCTGCGGCCAAGGAGAAGCTAAACGAACCTTGACCAA
AAGAAAGAGGAGATTTTGAAGCTCTGTTCTCCTGCTTCACTTCTACGAAGACTTCAAGAGAGTATGAAGGAGA
CCGAAGAAGAGTCAGACAACCTGCACAGGCAGCTTCTTGATAGAGAGATAGATTTGAGTTCTTTTACTCATAA
ATACAAGAAGCTTCGTATTAATTACCACCAGCGAGCTCTCATTTCAACTTGCTGCTAAAACCACTGAAACTTAA
AAGAACTCTGACAGTGGCAGTCAATGTATATTCTTACCGACGAATTTTACTGCCTTTACTGCTTAGGTTGAAAT
CATTTGAACCCCAGATGGGTTCTCTATCAAGTGCCTGCTTTCTCTAGTGAACGTCTGTTCTTTTACTGATGA
TAATAAATTGATTCTTTTTCATTTTGATGTTCTTCCCTCATTTCTTGTCTGTTGTAATGATATTTGTCCTCTTT
TGTTTCACATTATTTTCTTTTCTATACATAGTTTACAAGGTTGCTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_690 XM_002873171|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle binding
protein, mRNA

AGGAAAGGAAAGGAAAGGAAAGGAAAGGAAAGACACGGTGGTGGAGTTCTAGGGCTCACCACGAGCTTGT
GTACTTCTGCCTAATTTCTGTTTCATTCCCAAATTGATCGTCTTTCTCATTTTCAGATTCGTAGCAGAATTATCGGAT
CAGGGTTTTGAACGGACTTTGTGAGCTAGGAAATTTGACGGAAGAATTCAACTTCTGGAGCGTATTGTCTCC
GAAAATTTTGAAGATGGAGGGTACGGAACAGTGAAGGTTTCAGGTAGAACAATTGAAGGTCCAGATGGAGC
AATGGCTGGAACGAGGCTTGGAGTTTGTTCACCAAATACCCCAATTCAGCTCTACGTTGGGGTTGGTGTGTT
GTTGTTTACCACGCTACTTCTTTTATTGACTCGCTTGTTTAAAGCGCAGGAAATCGAATACCATTGTACTCAGTGG
GCTCAGTGGAAGTGGGAAAACTATTCTTTTTATCAACTTCGCGATGGTTCTTCTCATCAGGGTACTGTTACAT
CAATGGAACCTAACGAGGGCACTTTGTGCTTCATTCTGAAATAGCAAAGAAGGACAACTGAAGCCTGTTCA
TCTTGTTGATGTCCCTGGGCATTCTCGCCTTCGAGCCAACTAGATGACTTTTTGCCTCAAGCAGCTGGTGTAG
TCTTTGTGGTGGATGCTTTGGATTTTTGCCCCAAGTGTGCTGCAGCTTCAGAGTACCTTTATGACATTCTGACTA
ATGCGAGTGTGTTGAAGAAGAAAATCCCTGTCCTGATACTATGCAACAAAACAGACAAGGTGACAGCCCACA
CAAAGGAGTTTATCAATAGGCAGATGGAAAAAGAGATTGACAAGTTACGTGTATCGAGAAGTGCAATCTCAA
CTGCTGATATCTCAAACGACTTCACACTAGGAATACCTGGCAAAGCGTTTTGTTTACACAGTGCTATAACAAA
GTTGCAGTTGCTGAAGCCTCTGGATTGACGGGTGAAGTATCTGAGGTGGAGCAATTTATAAGGGAAAATGTC
AAGTTTTAGATGTATATTCGATTCTATGTGCTGATTGGTGCTTTTTTGGCCCTTCGATATGGAACCCGACATTTG
TACTTTTGAGAATTTCTAAATTTCTATCTCAATTTTTTGTAGTTTTTTTAAAGACTGAAGAAGTTATATATCCATGCC
TTGTTCCCTTGTTGATAAAAGGACCAATATTTTAGTGGGAACTGTCAGTACAATGTCACACAAAGCCAGAAA
CGTCGTTTGT

>trans_s_691 XM_002868979|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata minor allergen, mRNA

GCTTTTGAAATCTGGATTCCACGGTGGGTCCTGAGGTTGAAAATCCATCCCTTCCCCTTACAGATACAAACG
AACTCATCTTCTTCTTCTTCCCTCTCCAATTCCTCATTTTCACTTCCCACCATCATTCATAATTTCTTCTTCTC
ATGGGGAAGGGAGGAGTTGTGTTCCAGCAAGAAGAAGGTTCTTCATCTATTGCCGACGCCGACGCCACC
GATGATGTAAGGCCACGCGACACCGGAACAACACCCCGATCTCTGTTGAAGAAGATCACACACAAATTGCTT
CATCCGGCAATGCCACTTCCGAAGTCTCTGTCTCCGCGTCGCATCCAGTTGAGAAATTGAAGATATTCATCGTG
TTTTACTCCATGTATGGTCATGTGAAAGCTTGGCGAAGAGGATGAAGAAAGGGGTTGATGGGGTTGATGGT

TTTGAGGGGATTTTGTATCGGGTGCCGGAAACCTTGCCGGTCGAGGTTCTCGACCAGATGAAAGCGCCACCC
AAGGACCCGTCTATTCCCGAGATTTCTGCTGCTGAATTAGTGGCTGCCGATGGCATTGTGTTGGCTTTCCAC
TAGGTTTGGGTGTATGGCAGCGCAAATGAAGGCGTTCTTTGATTGACAGGGCAGCTCTGGAAGGAGCAGAA
GCTTGCAGGGAAGCCTGCTGGGTCTTTGTTAGCACAGGAACTCAAGGGGGCGGCCAAGAAACAACCTGCATG
GACTGCAATTACCCAGTTAGCACACCATGGAATGCTGTTTGTCCCATCGGCTACACTTTCGGTGCTGGTATGT
TTACGATAGACACAATACGAGGGGGGTCTCCTTATGGTGCAGGAGCTTTTGTGGTGATGGCTCGAGACAGC
CAAGTGAAACAGAGTTGGCGCTTGCACAGCATCAGGGCAAATACATGGCTGCTACAGTCAAAAACTTTTCCC
GGCTTGATGAAATGTCTTGTCTGTTTTCTTTCTTAAAAAAATGAATTCATTCAAATTGCACCGGCCCTGAT
TTACGATTGTTTCTCCTTGTCTCTCCATTCAAAGTATAGTTGTCTTGTGTTTGGTCATTCTTTTTTACG
TTACGTGATTGTGCAAAATATACGATGCCCTGTGTGGGATTGTTTTCTGTCGTCTCTGTACATGGTTTATGATT
CATGTTTGTGTTTGTAAATAATGTTGTGAAATGTGGAAATTTTCTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_692 BT020482|Arabidopsis thaliana At5g10750 gene, complete cds

AGGGAAGAAGGCTCCGTCCGGTGATTACTTACTTTCTCCTGTTGGTGTTGATTGGTTGAAATCTAGTACCAAG
CTGGACAACGTCCTCGCTCGTCCTGATAATCGCGTTGCGCAAGCTTTGAGAAGAGCGCAAGCCCTAGGTAAAGT
CGATGAAGAGCTTCATCATTGCGGTTAACATTCAAGTCCCTGGGAAGGATCAGTATAGTGCCGTGTTTTACTTT
ACTACCGAAGATCCGATTCCATCTGGCTCGCTTCTTCATCGATTCAATGGCGATGATGCTTTCAGAAATCA
ACGGTTGAAATTGGTGAATCGGATCGTGAAAGGTCCATGGATTGTGAAGAAAGCTGTAGGAAATTACAGTGC
GTGTTTGTAGGGAAGGCATTGACGTGCAATTACCACAGAGGGCCTAACTATTTGGAAATTGACGTAGATATG
GGAAGCCCAAAGTTAGCCAGTGCGATTTTGCATCTCGCGCTTGGTTATGTCACCAATGTTACAGTAGATATGG
GATTTCTGGTGGAGGGACAGACGGAGGAGGAGTTGCCAGAAAGACTGTTGCGCGCCGTCCGGATTTGCCAG
ATGGAGATGTCGTGCGGCGACTGTCGTAGAGGCGCCGACATTGGCGCGTGGAGTATCGTGTGCAAAAGGTGAA
TCACCACAAACCTGGCGACGAAGACGATAACTGATTGATTCAATTGGCGGTAATAATTTACGAGTCTTTCTCA
GTTTCATGAGTAAATTTTCTTTCAGCCTTGAAATGATAGATACGTAGATGGAAAATATAGAAGGTACTAGCCGG
ATTCGTGATTGTAGATAATAATTGAAAATGCACGAGATTATTTGCCTAATTGAAATTTCTCTGAAATTGAATC
GAAATTATATCTTGCTTTCAAAATCACACACCACAGGTTTTGTTCAACAATAGAGTTTGTGTTGATTATAATTCTT
AGACGGGGGGTGAATAACGTTCCCTCATTAGATTCTGTTTGCAGACATTGTATGATTACAAATGAGCTGT
TCAAATGCCGTAAATGGTGGTGGGACGGCGACGGAGACAGCAACGGCGGAGATTTCCGTCCGTTGGCTG
TTTCTGGAATGGGGGAGTTGAGGTGATTGGAACGTTGAGTATGTTGTGGGCCTAACACAGTGATATGGTC
CATGTTTAAACATTTATCTGTAACCTTAGCATTCAATAAAGAATTTTAACCCTTTCTTCTTAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_693 AY054242|Arabidopsis thaliana AT3g10210/F14P13_19 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAGGATACGAGCAAAGTTTAGTAAGAAACAGAACCATAAAGAACAG
ACCTATGAGGTACACAACAACAGTAATCCTACACATCTAAAATCTCCAATAACGATGCATAGCATAAGATGTTG
ACTAAGCTATCAACTATAACCATACAAATAAATTAATAATCAAACATCGGTAGCTTATCATAAATAACATTCCCCT
TAGTTTACAAGAAACACTAAAGAAGTTACCAATCAAGCTGCACAACAAAGCACAATTGAATGTACAGATACT
TTTGTGTTAGCCATGGCTCGTGTTAATTGCTCAGGAGCCTTGAGCTGGCTAAGATCAAATACAACCTCTTTAAC
CGAGCTTACTATGTCATGTACTGCCTTGACATCCATCTCTCCTCATATCTCCAAACGGAGTTGGCAGAATAAGG
TACCTCCGTGACATTGAGGGAATCGGGTTCAATGCCATAATCTGTCAGTGGTCTGTGTTCAAGAACTTCATCGT
GACTTTTCACAAAGTCGGGAATCTCAACCTCTCCCTTTTTATATCTTCCGAAAGATACTGAAGGCGGCTCACAT
ACTTGATTTTCCAGTACAATCCGCCACTTAGGAAAAACGGCCAAAAGTCGCCAAGACAAGCCTCGAACGGAG
ACCAGGATGTACAAAGTAGAGAAATTGAAGTCTATCCTTGAATCAGATGGAAGTTCTTCATAAATCCACCTC

AAGATAGTAAGGCCTGGACAATTATCATCCTTCTGGGCAGTAGTATGAAAGTACACAATGCAAAATGGACCCT
CAGACAATTCGTTCTGGAATTTATGGAAGATATATCTCTTCAGCCGCTCTCCACTTACAACAACAGCAGGGAAG
TACTTTCCAACGACACGGAGGATACGATTCCCAGCCTTGTCGGAGCCCTCAAGACGAACAACTGCAAAAGAT
CGAGATCGGAGAAATCCTCATCGGAGGAAAGGTTTTGAGAACAATCGTGCCAATGATCAGCGTCTTCAGGCT
CTTTATCTTTGTGAGACAAAAGTGGGCGGGAATCGATGCCGCCATCAGAAGGGAGAATAACGACTGAGAAAT
CGTTAGGGGTGCTACCCATCTCTGCTTCGATCGTCTTCTCTCGAGTGGGATGGAGTTCAGAAGGAATAAATAA
ATATCTCGCGTTCGTGAAGTAATTGAGAGAACTTACATGAGTGGATCGGATGACGTTGAGATCGCCATTCTT
GGAGGTTT

>trans_s_694 AY039875|Arabidopsis thaliana AT3g19970/MZE19_2 mRNA, complete cds

GGGACGGACTGCTGATTCTTGGCTCATGTTGTTTCAGTGTAATCCGGTATTGGTATGAGACATTCTGATCTGTG
TTTTAGATATGGGTTCTTGTCTGGAATCCTTCAACGACCATTTGTTGCTTTAACTGCGGTGGCTATAGCTTCTT
TTTCTCTGACTTTTCAGACAAGTTACCATCTCAGAAACCAACAGAGGATTCTTCTCCTCCTCCTCGTCCTCCTC
AGATTCAACTTTAGATTTCTTGAAGGAATCAAATACGTCAATTTGTTTCCCATACATCTGTTTCAAAGCTTGCAAA
CTTATCATTTGTCACTAAAATTCATGCACCTATCCCGAAATTTAGTTTTCCAATTCCAATTCAAGTTGCAACTAT
GTTGGAAACTTCCCCACGTCTTTTGTTCCTCCTCGTTCTTTCTAATTTATATCAGTCAGCTGCATTGACCAAGG
GATCAAAGCAGGTTGCACCTTCACCTAACTTTCTCCCCCCTTCTGAGGTTATGTACAGGTGGCATTTACCA
GAGCCAATTCTTTAGATATTACGGGTAGTTCTGCTTGTTGCGTGGCAAAATCTAGGACGGTGGTGGTTTTATT
AGGATGGTTGGGAGCAAAGCAAAAACATTTAAAGAGATACGTGAATGGTATACTTCAAGGGGTTTTTCATGC
CATTACCTTTACTTTTCCAATGGCTGAGATACTTACGTATCAGGTTGGTGAAAAGTTGAACAACACATTGACT
TGCTTGTAACCATCTAGCTGATTGGTTGGAGGAGGAGCACGGGAAGAACCTGGTGTTCACACTTTTAGCAA
TACCGGATGGTTGACGTATGGAGCTATTCTCGAGAAGTTTCAGAATCACGATTCTTCTATAATGGGAAGGATT
AAGGGCTGCATTGTGGATTCTGCCCTGTTGCGGCTCCCGACCCCTCAGGTCTGGGCTTCAGGCTTCTCTGCAG
CGTTCTTGAAGAAGAATAGTGTGGCAACAAAAGGATTGACAACCTGGGACAACACAGGGATGGAAGTATCAA
TCAGCGATAAAGAAAATATAGAACCTAAACCTGCCGTTACTGAAGCAGCCCTTCTATTACTGTTGGAAAAGAT
CTTCGGCGTTGTTTTGAACCTCCCTACTGTGAACAGGAGGCTATCTGATGTGTTGGATACGCTATCGTCATCAC
AACCAAGCTGCCACAACCTGTATATCTACAGCTCAGCGGATCGAGTTATCCAGCAGGTTCTGTGGAATCGTTT
A

>trans_s_695 U30875|Vigna unguiculata glycinamide ribonucleotide transformylase (Vupur3)
mRNA, complete cds

AAAAAGCATATAATCTCGAGGGATCGAGTCATTGATATTGGCGGTTAAGGACTAAACATACGTTGGGCTCCTC
ATCATTGGTGGTGATGCTGAGTTTCTAGACCTTGGTGATGCTGAAGTGGGAGCTTGAGAAAGATTGACCATTA
GGCGTGTTTGTTTTGTTTTGCCACTTCCCTATTCACTCATTTTTTTACCCTATCCCAGTCTCACATATTCTCTCAT
ATCCTATACAAACAATCGAAGCAATCTATTCTATTGGTTTTTTTGCTAGAATGGAAGCCCAATGTTCTCTCTGTC
GGTCTTGCCCAAAATTTCTCTTTCCGTTGATTCGATCTCCCAATTATTCATTCTTTTGAAGCTTCCTTCTCTGCTC
TTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTGTCCAAACCAATCATTCCACTTTGCGTAGTGTTTGGTTCAAGGAAAATATTG
CTTGAGGAAGGTTGTGAGTGCCAGTCTCGAAGGGGAAGTTTCAAATCTGTGATTCAGAAGAAGAACTTG
CTGTTTTGTCTCTGGTGGAGGCTCCAATTTCCGTTGATTACGAGGCTTCTTGAAGGATTGGTTCATGGA
GAAATTGTTGTTGTGGTTACTAACAAAAGTAGCTGTGGCGGTGCAGAATATGCAAGAAGTAAGAACATTCCA
GTTCTTTTGTTTCCAAAACCAAGATGAACCCCATGGCTTATCTGCATCTGAGCTTGTAGCTACCCTTAGACAC
TTTGGGATTGATTTCACTTCTTCTGGCTGGATACCTAAACTTATACCCCTTGAATTGATACAAGCTTATTCCAAA
TGTATACTAAATATACCCCATCACTTCTTCCGCGTTTGGAGGCGAAGGGGACTATGGAATGAAAGTGCACA
AAGCAGTGGGTAACCTCTGGAGCTCGGTTTTCAAGTGCAACAATCCATTTGGATGATGAGCACTTTGACACTGA

>trans_s_696 FJ060783|Pinus taeda isolate 4620 anonymous locus 0_16869_01 genomic
sequence

>trans_s_697 AB006807 | Cucumis sativus CS-ACO2 mRNA for ACC oxidase, complete cds

AGACAATAATAAAACATACACAAAACACACACAAAAGAAAAAATGGAGTTCCCAATCATCAACTTGG
AGAAGCTTAATGGTGAAGAGCGACCGACCATCTTAGCCAAAATCAAAGATGCTTGTGAAAACCTGGGGTTTCTT
TGAGGTACTAAACCATGGAATAGAGCCAGAATTTCTAGACAAAGTAGAGAAATTAACAAAAGAACATTACAA
GAAATGTATGGAAGAGAGATTCAAAGAACACATAGCCAGCAAAGGACTAAACGACGTCGTAACAGAAGTCA
AAGATGTTGACTGGGAAAGCACTTTCTTCTCCGTCATCTCCCGGTCTCCAACATCGCCGATCTCCCGAACTA
TCCGACGATTACAAATCCGTAATGAAACAATTGCGCTCAAATAGAAACACTGGCGGAACTCCTCCTGGATT
ACTCTGCGAAAATCTCAACCTTCCAAAATCATATCTGAAAAACGCTTTCACGGATCCAACGGCCCACTTTCG
GCACAAAAGTCAGCAATTACCCACCTTGTCCAAACCCAGATCTAATAAAAGGCCTCCGAGCACACACCGACGC
GGGGGGGATAATCCTTCTGTTTCAAGACGACAAAGTGAGTGGTTTACAACTGTTGAAGGACGGGGAGTGGGT
GGACGTGCCTCCGGTACGGCACTCGATGGTGGTGAATATCGGGGATCAACTGGAAGTGATTACAAACGGGA
AATATAAAAGTGTTTTGCACAGAGTAATTGCGCAGCCGAAGGGGAAGGGAGAATGTCGTTGGCGTCGTTTT
ACAATCCGGGAAGTGACGCGGTGATATTTCCGGCGCCGAGTCTGGTGGCGGAGGAGAAAAATGAAATATAC
CCAAAATTTGTATTGAGGATTATATGAAGCTTTATGCAGGGCTGAAGTTTGAAGCGAAGGAGCCGAGGTTT
GAAGCGATGAAGGGTAATAACGTAAAATTGGACCCAATTGCAACGGTTTGAATTTTCTTTATTATTAATATTA
ATCATTGTTATTCCATTCCAGGGCATTATTTATTTTATTTTATTTTATTTTATTTTATTTTGTATGTGTGTGTTAT
GAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGATGATTGTTGTGTGTGT

ATTTTAAAATATTATTGTGATGTTTTATTAATTATGAAATGAGGGATTGATATGTAATGTAAATTGGTTATCAT
ATACCCAATTTAACTTT

>trans_s_698 NM_001054934|Oryza sativa Japonica Group Os02g0797700 (Os02g0797700)
mRNA, complete cds

CAAGGTATGAGGAGTTGGACAAAGAATCTCAAGCGCAGATGAACGAGGAGTTATCTGGTTGGAAGCTTGTTG
TGGGGGATGTTTTCCGTGCTCCAGCCAATCCTGCACTTTTGTGTATAATGGTTGGTGATGGGGTTCAGCTTCTA
GGGATGGGAATTGTGACCATATTGTTTGCTGCTCTCGGGTTCATGTCCCCAGCATCCCGTGGAACACTGATTA
CAGGTATGCTATTTTTCTATATGATTCTCGGTGTGCGAGCAGGGTACGTTGCTGTACGCTTTGGAGAACTATC
TGTTGTGGCGACCACAGAGGATGGATCTCAGTCTCATGGAAGGCTGCTTGTTTCTCCCTGGCATTGCCTTTCT
AATTCTTACTACACTGAATTTTCTATTGTGGGGTAGTGGAAGCACTGGTGCCATTCTTTTTCGCTCTTCGTTAT
CCTACTTTTGCTGTGGTCTGTATATCAGTTCCTTACTCTTGTTGGTGGGTACTTGCGCAAGGCACCTCATA
TTGAGTACCCTGTCAGAACCAATCAAATCCCAAGGGAAATTCCACCCAGAAATACCCATCATGGCTTTTAGTA
CTTGCGCTGGCACTCTTCATTGGGCACCTTGTTTCATCGAACTCTTTCATCATGTCTAGCCTCTGGATGGGT
CGTGTTTATTATGTTTTCGGGTTTCTCTTATAGTGTTGGTGCTTCTTGTTGTTGTTTGCTGAGGTATCCTTAG
TGCTAACCTATATGCATCTATGCGTAGAAGATTGGAATGGTGGTGGAAAGCTTTCTTGCTTCTGGTTCAGTT
GCCTTATACATCTTCTGTACTCGATTAATTATCTCATCTTTGATCTTAAGAGCTTGAGCGGACCCGTCTCAGCC
ACCTCTACCTTGGTTATTCATCTTCATGGTCTTGCAATCATGTTCACTGGAACAGTTGGATTCTCTCAT
CGTTCTAGTTCGTGCATTACTTGTTCTCTCTGTGAACCTGGATTGAGTAATCTCATCATGTCCAACTCCTGAA
ACCATTAAGGTGCAGCAAGCTCTATGCAGATGTTCTATCATGTATTAGTCATTGTCTTTGTTTTTTTTTCACT
CAATTTGAGCATGGATCTAGATAATGTAGCAACAATACTGGTTAGAAGTTTGTCTCTATTGTTTTATGGAG
CTCATTGTATGACATTTGAACCTGAGTTTACTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_699 XM_002875297|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata auxin signaling F-box 2 (AFB2),
mRNA

ATGATCGAGATTCTGAGATCTATGACAATCTCAAGAACACCTTCTGAAATGCAAATCAATCAGGAGTTTATCT
GGTTTTTTAGATGTTTCTCCTTGCTGCCTGGCCTCCATTTACCAATTTGCTCCAATTTGACATCCTTGAACCTGA
GCTATGCTCCTGGGCTTCATGGCAATGAGCTCATAAAGGTCATTAGTATTGCGAGAGACTTCAACGATTGTG
GATTCTGGATGGTATTGGAGACAAAGGACTGGAAGTTGTTGCTTCATCTTGTAAACGAATTGCAGGAATTGAG
GGTTTTCCCATCTGACCTCTCCGGGGCTGGTAATGTTGCTGTACAGAAGAAGGTTTGGTAGCCATATCGAAG
GGGTGCCCCAACTTCATTCGATATTGTACTTCTGCCATCAGATGACAAATGCTGCCCTTGTAAGTGTAGCAAA
GAACAACCCAACTTCATACGTTTTAGGCTGTGCATCCTCGACCCACAAAACCAGATCCTGTTACTGGGTATC
CACTGGATGAAGGTTTTGGGGCGATTGTTCAAGCGTGTAAGGTCTGAGACGTTTATCTCTCTCAGGCCTTCTT
ACGGATCAGGTATTTTATTACATTGGTGAATATGCAAAGCATCTAGAAATGCTTTCGTTAGCATTTGCTGGGAA
CAGTGACAAGGGAATGATTCACGTATTGAGTGGTTGCAAGAACTTCGCAAGCTCGAGACCATGGACAGCCC
GTTTGGTGACATGGCACTTCTGCAGGACGTTGGGAAGTATGAAACAATGCGATCCCTTTGGATGTCGTCCTGT
GAGATTACTCTTGGTGGCTGCAAGACATTAGCAAAGAAGATGCCGAGGCTGAACGTGGAGATCATCAACGAG
AATGATCAGTTGGGATTCTGCCGCAATGTGGATATGATCAACGAGAATGGTCAGTCAGAACTGCGCGTGAT
GATGAGCAGAAAGTAGGGAAAATGTATCTGTACCGTACATTAGTAGGACCAAGGAAAGATGCTCCTAAGTTT
GTATGGACATTGTAGATTGATACTTCTTCCATCAAGGCTTCTGAATTTTACTTTGTACCTTTTTCTTGTAGGC
AAACTGACCACTGGGATTTTTATTAGCTATGTGAGCTTAGTGATTGGTGTATTGTAATTATNGGGAGTT
CTTCAATTTGTAATCTGCATTGATGTTAGACAGACTTTCGAATTCAGTTTTCTCATTTCTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_700 AY792593|Cucumis sativus ethylene response factor 1 (ERF1) mRNA, complete cds

GCATCTCGACCCATTTGCCCCCTTTTCCCCTCCCACCCTTCTCTCCCCTCTCTCTCACCCAATTACCCAGAAGAAA
AAGAAATTGATAACACAACCGAAATTGTTTTCTCGAGGTGGAAGAAACCAACGGACACGCAGATCGTCCTCT
TTTTTCATTTCTTGTGATTTGATTTGCTTTGATCTGGATTATCGGGATTAATGGCACCGAGGGAGAAGGCAGTT
GCCGTCAAGCCTAACGTGCGTAACGTGAAGGAAGTGCATTTTAGAGGAGTGAGGAAGCGGCCATGGGGGAG
ATATGCCGCTGAGATCAGAGATCCCAGCAAGAAAAGCCGTGTTGGCTTGAACCTTTGATACGGCGGAGGA
GGCGGCTCGAGCCTACGACAACGCCGCTAGAGAGTTTCGCGGCGTTAAGGCCAAGACCAATTTCCCTTTGCCC
TCCGACGATAAGCTTCTTAACCTTAACAATAAGATTAACAACATCAACAATAATCAGAGCCCGAGTCAGAGTA
GCACGGTTGAGTCCTCTAGCCGGGAGCAAGCTCTGATGGTTGATTCTCCCTTTGGATCTCAATCTAGGTCAC
GGTATTGGCGGACTCACGACCGCTGGACCCATCAGTTTCCCATTTACGCGTTACCAAATTTCCCATGATCGGAG
AAGTTTTTACCCGCGGCATACCGCCTTCGAATCACGTTCTGTATTTGATGCGGCTCTACGTACTGGAATGATC
AACAGTCATCCGAACCAACGGCTACACTTCGACCGTATTCGCGGGATAACAGACAGCCCTTAGCGACGCGATT
TCGCCGGCAGCGGTGTTGAGAGCGACTCCGATTCTCCTCCGTTGTGGACATGAACGGTCAAGACCTCAAGCC
ACGAGGAGGAAGCGGCGGCCGCCTGGATTTGGATCTCAACTTTCCCCACCAGAATCCGCCTGAATTTTTTTTC
CCTAAGCGAAGATCGGCTGGGATTTATCATAAATTAGGTCCCCACTTTTTTTTTTTTTCTTAATTTTTGGGTTTGT
GAAAATAACTTAAATACGAAATATTACGATCAGGGAAGATATTATGAATATGATTGTGAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAGAGCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCGCCCCCAAAAAATTTATATTCCCCC
CCACCCCGGGGGG

>trans_s_701 XM_002872127|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

CGGAGATACAATTTGAGGTTGATGCATCCACTGTTTGACTCAGTTTAGTGGAATTGCATCCGGAGTCTTCAA
CAAATCAAGTGATCATGATGTGCAAATGGTCACTATTCAAAGCTGGAGGCTCTGGAGTCCCCAGTGCTGCGT
TGTAATATTATATGGGTTCTTAAACTCTTCTTTTTGGATGAAGTCTCCTCATGGAGTTCTGATGATTGGAGC
TGTAACAGTTTCTTGATAATTTGTTGCTGATGTGCTGTGATCTGCAGCTGTATAGAAGAAAGCAACAGTGT
CATGGCCTGTTTGACGGTGAATAACATGCCTTTCTGGCTTAGGATCATTGCTAAAGTCCTTCTATATGCAG
GTGCTTTAAGCTTCTATCCAGATTCAACCATGTCTGCATTGGAAGATATTATTTTCCATGGCAGAGGTTGC
AACTTACTCAAAGCCTCAACCAATTGGGACGGAAGAAAATCAACATATGACATGCAGAGGAAAGGAGATAAG
AACTGTGTACACTGAGCAGTTTGATTCTCTGGCGTTGCCCTTGAGAAATCAAATGACCCCCAGGAGGTGTTG
GAGAGGGAATACATGCAACATGGATGTGCACATTATAGGCGAAGGTGTCGTATCAGAGCTCCCTGTTGTAAT
GAAATATTTGATTGCCGTCATTGCCATAATGAAATAAAGAATAGTATTTGTGTTGATCAGAAAGAAAGACATG
AGATCCACGCCATGAAGTCAACCAGGTTATATGCTCACTCTGTGGTACAGAACAGGAGGTTCCGCAAGACTG
TATCAACTGTGGTGTGTGTTTTGGAAAATATTTCTGCGAGAGTTGCAAGCTGTTTGATGACGATACCTTAAGA
AGCAGTATCACTGTAATGGCTGCGGAATTTGTAGAATTGGAGGGCGCGAGAAGTCTTTTCCACTGCCATAAGTG
TGGTTGCTGCTATTCAATTCTTCTAAAAAATAGCCATCCTTGCGTTGAAGGGGCAATGCATCATGACTGTCCTG
TTTGCTTTGAGTACCTATTGATTCAACAAATGATGTTACAGTAATGCCATGTGGACACACCATCCATCAAAAT
TGCTTGAAGGAGATGAGAGATCACTTCCAATATGCTTGCCCTCTTTGCTCCAAGTCCGTTTGTGATATGTCAA
GGTGTGGGAAAAAATTGACATGGAAATTGCAGCTACGCCATTCCAGAGCCGTACCAAACAAAATGGTCTG
GATTCTTTGC

>trans_s_702 AB597303|Cucumis sativus CsCytAOR mRNA for cytosolic alkenal/one
oxidoreductase, complete cds

ATGCATATTCAATTCAAGTAAGCAGTGAAGTTTTCTAATCAAACCCCAAAAAGTTTCGCTCTCGGCTTCAACAA
TTTGGGATCTTTTCTCCATTCCATCCATGGCTGCCGTTTCTATCCACACACATGAAGGCTTGGGTTTACCAT
GACTTTGGCAACACTCCAGATGTTCTTAAACTGGATTTCAATTACCCAGTTCCTCAAATCAATGAAAATCAGTT

GCTCATCAAGGTTGTTGCTGCATCTTTGAATCCCATTGATTACAAGAGAATCCATGGAGCTTTGAAAGCTTTTA
ACTATTTCCCTCCGTCAATACCTGGCTATGATGTTGCTGGTGTGGTGGTGAAGGTGGGAAGTGAGGTGAAAA
AATCAAGGTAGGAGATGAAGTTTATGGAGATATAAACCATAAAGCATTGGATAAGCCAAAAAATGTTGGCA
CTTTGGCTGAGTACACTGCCACAGAAGAGAACGTTTTGGCACTGAAGCCTAAGAATCTGAGTTTCTTAGAGGC
TGCTAGCCTTCCCCTTGCCATGGAACTGCCTATGAAGGTCTTGAAAGGGCCGGGCTTTCCCCTGGAAAATCG
GTTATTGTTTTGGGAGGTGCAGGGGGAGTCGGAGCTCATGTTATACAGCTTGCAAAGCAAGTGTGTTGGTGCA
TCAAAAGTAGTTGCTACTGCAAGCACATCAAAACAGGATCTCTTGAGAAGCTTAGGAGCTGATCAACCTATTG
ATTACACAAAGGAAAACCTCGAAGACCTTGATGAAAAATTCGATGTAGTCTACGATGCAGTCGGTCAGCCTGA
TAAAGCGGTTAAGGCATTGAAAGAAGGCGGAAGTCTTGTGAGCATCGCTGCACCAGTTCCAGGGTTCCCGGA
TGCTTTCTTCTCCTCACTTCAGATGCTGTCATGTTGGAGAACTAAATCCTTATCTGGAAAAGTGGGAAGGTGA
AACCGCTTATCGACCCCAATCTCCGTTCCATTCTCCGATACACTCGACGCATTTGCGTATCTTGAAACCTCCA
GAGCTACTGGAAAAATTGTGATTTATCCCATCCCTAGAGGCAAGTTGATAGTAATTTTATGTGATATGTA CTG
GAAAGTCCCTTGTTTGAGAATAAGTTGTGCGAAATCTGCACACAATGGTTGTTCTTTTAGCACTGCCTCTG
TTTACATAATGTACATTGTTGTGGTATTGCTTATTGTTTTGAAGATTGATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_703 AF372912|Arabidopsis thaliana At1g26660/T24P13_4 mRNA, complete cds

CTCTGGATTCAAAGCTTTAAGCTTTACGGGGTTAACATTCCGCCCTAGCTTTCCCCTCCCCCGCTCAATTTT
CTCCTCAATCTTCTTCCAACAAAGCTCCAAGGTGTTAAGAAGTGGGAAGAAGATAATGGATTGGGCTCAAAA
TGCATCTTCAGCTGCTGGGACTGGTGGGAAGCGGTGGCAATGGATCGGTTATCAATGATACGTCAGTGTCAACT
ACAGTGGATGATTCAAAGCAGAACTGAATCAAGTAATCAATTCCATTGAGAAAACCTTTGGGTATCCTCCATCA
GCTAAATCTCACCGTTTCTAACTTCAATGCCGCCTATCAGCTACCTCTTTTACAACGCCTTAATTCTCTAGTTTTG
GAGCTAGATAACATGGTTAAATTATCAGAGAAATGTCCCATCCAGGTCCCTATGGAGGTTCTTAATTTGATTGA
TGATGGGAAGAATCCAGATGAATTCACGAGGGATGTCTTAAATAGTTGCATTGCAAAAAATCAGAGTACAAA
AGGCAAAACCGATGCGTTCAAGGGTTTACGGAAGCATCTTTTGGAGGAACTCGAACAAACATTTCTGATGAA
GTTGAGTCTTATAGAGAAATTCGTGCTGCTTCTGCTGCCGAAGCAAAAAGGATAGCGCAAGCACAAAGTATGT
TACCAAATGGGGACATGAAGGTTAAGATGGAGGTTTAAATGCCTTCTGCGATAATTATCAGGGAGTTGGTTCT
TATTTTATACTCAATTAAGTCGACATTGAATTTTCTCACTCAAATAGACGAGGTGGCTGTGTCTTGGTTTCTCT
ACTCAAGACTGTTTGGGAGGTAACGTTGAATTTGATGATGGCTTATGAATCAAGACTGCAAAAGCCATACTGG
ATGAAACATTAACCTGGAACAACTATCGTATTCGATTCATTGGGCCAATCAAGACAGAAGAATCACACAATCCT
CAAACGTTGAACTCTGGATTTTATTGGCAGTATCCAACCCCATTCATTGTGTCTGATTCAAGCTTTATTTTACTTT
CTGCTCATTAGTAAATGAATCTTTATGCAAAGCTGGATTCTCACTTCTCTGTTAATAAGTATTGTAAATTCGTAT
ACTAATTCGTTGTCACATCTAGATAAACTCACTTTTTTCACTAAAAGATAAATGTTGAACATTTGAGCAGGAG
GAACCTTGACTCAGTTGGCTGTCTCTCAATGATGTATTTGAATGGGAAGTTTGGTGTGGCTTTTGTGAAA

>trans_s_704 XM_002302474|Populus trichocarpa histone ubiquitination proteins group
(HUPA902), mRNA

AGATTAGAATTGCATCTCAGCAAACAAGGGAGTCACTTGATCAATCTCATTACAAAGTTGAAAAAGTCGGAC
AACTCAAGCAGAGCTGCAGATAGAATTAGAAAAAGAAAGGTTTGAGAAGAAAAGAATAGAAGAAGAACTAG
AAGTTATTGGCAGAAAAGCTTCACGGCTTGAAGCACAGATGGAAAGCTCATCAGTAGTTGAAAAGCTTCATG
AGGAACTTGGGGAATACGAAAAGATAGTGAATTGCAAAATTTGTGTCAACAGTAGAAAGCAGGTTGTCATTA
CAAAGTGCTTCCATCCGTTCTGTAATCCCTGTGTACAAGATATCTTGAACAGTCAGCATCGCAAATGCCAAGA
TGTAAGTCAAGTTTTGGGCCCAATGATGTCAAACAAGTTTCTTTTGAAGTTTGAAAGTCTGCTCATACG
CACCTCACAACATGACTTCTTAGCTGCCTTTGGTCGCACATTTGATGGCCATTTGGTTGACGCACGAGTTGACA

TGGGGATATAAACAGGTTTACCTGTATGACTATGTAGAGTGTAAGGCCAAAGTGCAAACAGTGCGTGAGACGA
GAGCAAGGAATGTGGAATTCCTGCTGCATAACAATTTAAGCTAATCATTTAAATTGTTGGCTTGATTGAAGGTT
GTGATTTTATTGAAAATTTATTAAGATACAAATTTGTTATAGCTTCCCTTATGATGTGCTTGAGCAACTGGAA
GCTTTCATTCAATATTTGCAGATTATCCGAATTGCTTCACACTGCTAATACAGCCATGGATGGACATAGACA
AGGCTTACTTTGCTCAACCAATAGTTGCGCTCCCACCCCAACAGTGGAAGCTACAGTTGATGTGTGGTGTCT
TAATGCAACGGGGTTTGCCTGCCCTCTCAAACAGCTGGTGGGGACAACCTCATCTCTCTGCCGGCAGAAAT
TTTTGTACATGACTTGTTAGGCCCTAGAAGCTGATATTTTCATTTCGATATATCTTATACATTCATTCCTCTCTC
TTTTCCCTTCTGGTGTATTTGAGCTTCCATGTTTGTATGTTTAGTGAATCTGTCAATGCACATGAGGTGCAGAA
TTTGTGTTGAAGATGCTTCTTGGTATAAGATTGCTTGTTTATTTGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AATAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_705 XM_002329288|Populus trichocarpa acyl:coa ligase (Ptr4CL6|ACLL12), mRNA

ACTGAGACTTGTGGAGTTGTTGCGTTGGAGAATCCAGCAGTTGGCAAACGAAATTCTGGTTCAGCTGGAACA
CTTGCCCTCTGGTGTGAGGCTAAAATAGTCAGTGTGGATACTCTAAAGCCTCTACCTCCTAATCAATATGGAGA
GATACATGTTTCGAGGACCAACATGATGCTCGGTTATTTCAACAATCCTGAAGCCACCAAGCAAACCTATTGAT
AAATATGGATGGGTGCATACTGGAGACCTTGAGACTTCGATGAAAACGGTCAGCTTTATGTTGTGACCGAA
TCAAGGAACTCATCAAGTACAAAGGTTTTAGGTTGCACCAGCTGAGCTTGAAGCACTGCTGGTTTCTCACCC
GGAGATACTAGATGCTGTTGTCATCCCCTACCCTGATGAAGAAGCTGGAGAAGTTCCAATTGCTTATATTGTT
GATCTGCCAATAGTTCTTTGACTGAAGAGGACATCCTTAAATTCATTGCTGATCAGGTTTCTCCTTACAAAAGG
TTAAGAAGAGTGACATTCATCAGCAATGTCCCAAGTCTGTTTCTGGTAAAATTCTGAGGAGAGAACTCATTG
AGAAAGTAAGAGCTAAAATCTGAGATCTTTGTTTCTAGTTTCATTCTGATAGTGGCCATAGAAGAGAAGTAA
TAAGTTAGTCTAGGCCAATATTAACCCATTTTGATCGAATCTGAATAACTTGACCATAAAAGTGAATAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAATTTTTTCAACC
CCCCACCCCCGGGGGGGGGGCCCCGGGCCCCATTCCCCCTAAGGGGGGGGCTAATCCCCCCCCCGGGGCC
CCTTTTTTAAACCCGGGGGGGGGAAAACCCGGGGGTTCCCAATTAATCCCTTGGA AAAAACCCCCCTTTT
CCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTTCCCAAATTTTGCCCCCGAAGGGGAA
GGGAACCCCCCGGGAGGGCCATTAAAGGGGGGGGGGGGGGGGGTTACCCAAGGGGGGCCCTAACT
TTTGAGGGGCCAAGGGCCGTTTTTTTTTTTTTTTCTTTCTTTCCGGCAGTTTGGCGGTTTTCCCGGTA
AGGCTATAAAGGGG

>trans_s_706 XM_002874520|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal
domain-containing protein, mRNA

ATTCCTTCCATGGCTTCTTCTCCATTTCCCAATTCTCTCTCTTTCACAAGACCTTCCATTCCCCGCTCCTGCAT
TTCGTACATGGCGGGTCTATGCAGCACAAGCTCCCAACAACGACCGCCGACGACCTCCACCGGTGTCGACAC
AAGAATTCATTGGCAAACGAAGAAGAAGGATGGATTGGAGGCAAGAAAAAGGAGAGTAATGATCAAAATA
ATGAGAGTAATAATATGTTGGGTCCAAGTTTGGCAGACTTGCTCAACAACCTCGTCTGACTCTCACTACCAGTAA
GTTCTTAGGAGTAGGTGCAGAGGCGGAGGTAGAAGAGATAAAAAGTGCATATCGAAGATTATCAAAAGAAT
ATCATCCCACACGACCCCTCTCCCTCTAAAAGTTGCATCGGAGAAATTCATGAAATTAACAAGTGTACGA
GGTACTAAGCAACGAAGAAAGCCGAAAGTTCTACGACTGGACGCTTGCAAGAAGAGGCGAGCCGTCAAG
CTGACAAATTGAGGATTAAGTTAGAAGATCCTTACGAACAAGAATTGCAAAATTGGCAATCTACTCCAGACAT
GGTGGATAGGCTTGGAGGAAGAAACATGGAGCTGAGTGATCAAGCCACCACTGCTCTTACTTTGGATATCTTT
ATCATTCTCTTGCTATAGCTTGCAATTGTTTATGTCTTGATTTTTAAAGAACCATATTATTGATATATTACATACA

TATACATTACCAAATTAATGTAAAGGTCAGAATGGCTAAAAAATATCTACAAAATATAGCAAAATTTTCATAT
TCTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTAAAAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCC
CGGCCCCCTTTCCCCCAAAGGGAGTTAAAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAAACCCCCGGGGG
GGAAAACCCCGGGGTTCCCAATTTTAACCCCTTGACCCCCCCCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAA
AAGGCCCCCCCCCTTCCCCCCCCCAAAATTTCCCCCGGAAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGTACCCCC
TTTAAACGGGGGGGG

>trans_s_707 BT014700|Arabidopsis thaliana At1g48170.1 mRNA sequence

AGATACTTCCCCAAAATATTTTGTCTCTTTCATCTGATGTAAACGCAAGCGACCAAATTGATGAAAGCAGGA
TGCCGTTCTTTCATTTAGTTCAAATGTTGGGCTAAAGTTTGGTGTTTAATGTTAAAAAGAGGGGAAAAACCT
CATGAATTGTCCCTTTTCTTAGTATTTAAATTTGTACATTTTCAAATTATATTTTAAATCTTTTATAAACATTCA
CTCTGAACCCAGCTTCTCACTGTTCTCGTCGGGTTCTCATCTCAAGCCTCACCGTCACTCTTTTCTGGCAAC
GACGCCAGCCATTCGTCGTTCAATTGGGTTCTGTCTCGTCCAGTTTAGGGGGTTTCGAGAAGAAGAAGGTTG
ATAAAAATGTTACATGAAGGTCAAATCTCAAAGAAGAACAGCCACTTGCGAGTCCATCAAGTAGCAATAGCA
ATAACAACCTTGATGGTGGTGGTGGTTCGGGTTACTTGCTTCAGTGAAGCCATAAATGATGTTCCCATCCATTTT
CAGATCATATGTCTCTCCAAACAGATATATATATGGATTGGTTGCAATTCTGCAAATTTGGAAATTTGTATGC
AGCTGCCCCACACGGCCGAACAATACAGTGAGTGTTACTTCCCTACTCGGGGGTTCATCTGATAATACAGGA
TCTAGCATGGCACGTGCGCTAGTGTTAAAAACCGGTCTAAATATCATCTTGCTAGCAATATTCGAAAAACA
GCCCCATGATCGAGGTAGCTGCTGAAAAGGTATTAGTGCAAAGCTGGTCACTTTAGGGTACATAAGGCCTA
AATCAGAAGGTCCATCTAGATAATTGGTACTCATGATTAGTCTTCTTACAAGATCCAGAGAAGCATTCTTAC
TCTGGTTGCTGGCTGCTTTCTTCTTGCAACCTTGTAAGTAACTGAACTTCAGGCTTGAATGCTAGGACTTTGGAGG
ACGATATATCCGAACATACCGCCTATCAAGGCACTCGATGGGGTTCTATTTTACTTCGATCTTGCTTAGATATT
GATTAAGAACATTATCCATTTTTTTGTTATAATATTGGATAAATGGATATGGTGTAAATACGTTGTAATTTGTTT
AATATCCCATTAGCAGATTGTTTATCTCTCCCTGTTATCATCTTGTTTGGTTGTCCATTTTCATTAGCTTCGTTTT
CAAGAATGAACTAATATTTATTTGATTCAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_708 AY054680|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g51400; MFG13.11) mRNA,
complete cds

TTTCTCCATTCTTTCTTCTAGTCAGGGCAAAGAAATTTTGGATCGGTTGACTCTTCTCAACTCCACTAGTCTT
GGGGAGGTAAATCAGATCTTCGACAACTAAGCGAACCATTTTAGCTGAAGATTTGTTGCGCAAGTTCATTTTCT
TGCTGGGATGGGTGATGGGGCTGCGCCTTCTCGGTATGTGAAATTGAAGAAAGATCAAGCGCCTTTGGAAGA
TATCAAACCAGGGGAGCTTAACCAGCCATTGAAGTTCCTCAGCTAAATGTAAGAAAGTGTAACGAGTGTGG
ACAGCCACTACCTGAAAGCTTTGAGCCTCCAGCGGATGAACCTTGGACAACTGGGATTTTTGGCTGTGCTGAA
GATCCACAAAGTTGCTGGACTGGGCTGTTTTGTCCATGTGTTTTGTTGGCCGCAATGTCGAAAGCTTGAGAG
ACGATGATATGGATTGGACGAGGCCATGTGTTTGTATGCTATATTTGTTGAAGGTGGCATTGCCTTGCGAC
AGCAACTGCAGCGTTCATTGCATTGATCCAAACACATCGTTTCTCATTTGTGAGGGATTATTGTTTACCTGGT
GGATGTGTGGCATTACACTGGACTCGTCCGCAATCTTTCAGAAAGAAAGTATCATCTTAAGAACTCCCCATGT
GATCCTTGATGACACATTGCTGCCTGCATTGGTGTGCTTTATGCCAAGAACACCGGGAGATGAAGGGACGTC
TAGCCGATAACTTTGCGGTGCCAATGACAATAGTTAACCCCCACCAGTTCAAGAAATGAAGTCAGAAAATGA
TGATGAAGGCACAACATCGTCTTCGAACATTGGGAATGGGCAGACCAATCTGGAAATGCAGGCTTTGTAGAA
CCCATCATAGATACAATCACAACCACCACAAGCATACATTAGATAGTTTCAATGAGACTCGGACCATCCCCAA
GAGTGAATGAACTCAGCACAGTCTTGAATCATTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATTCCTTAATATTTGAT

TTTTTTTTCTTGGGCATGAATTATATACAATTTTATGATGGAGATTGGAAAATTATGGGTGGTCATTGCTCGT
CNAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCAAAATTTATTCAATACCCCAACCCAGGGG
GGCC

>trans_s_709 AB353300|Lotus japonicus ACTK mRNA for ACT-domain-containing protein kinase,
complete cds

GAAATTAATCCTAGACATTTGAAGTTTGAGCATAAAGTTGCATCTGGTTCATATGGGGATCTGTATAAAGGTA
CATACTGCAGTCAGGAAGTGGCTATTAAAGTTCTCAAACTGAACGTGTAAATACTGATATGCAAAGTGAGTT
TGCCAGGAGGTATATATTATGAGAAAAGTAAGGCACAAAATGTCGTACAGTTTATAGGTGCATGTACTAA
GCCCCAAGCTTGTGCATTGTAACAGAATTTATGTCTGGTGGTAGTGTCTATGACTATCTACATAAACAAAAGG
GAACTTTTAGGCTTCCATCTTTGCTTAAGGTAGCCATTGATGTCTCCAAGGGAATGAACTATTTGCACCAAAAT
AATATAATTCACAGAGATCTAAAAGCTGCCAATCTTCTGATGGATGAAAATGAAGTTGTCAAGGTTGCCGATT
TCGGTGTGGCCAGAGTAAAAGCTCAATCAGGAGTTATGACCGCAGAACTGGGACATATCGGTGGATGGCTC
CTGAGGTTATTGAACATAAACCTATGATCACAAGGCTGATGTTTTCAGTTTTGGAATTGTCTTGTGGGAGCTG
CTAACCGGAAAGCTACCTTATGAATTCCTAACACCATTACAAGCCGAGTTGGAGTAGTACAAAAGGGTTTAC
GGCTACTATTCTAAGCACACTAATCCAAGCTAGCCGACTTGCTAGAAAAATGTTGGCAGCAAGACCCATC
TTGCAGGCCCCGACTTTTGTGAAATTATCGATATATTGTTGCAGATAACTAAAGAAGTTGCTGAAGAGGGTGAG
GATCGAAGAAAGGAGAAAAGTGGAGGATTCCTTTCTGTGTTGAGACGAAACCATCACTGAGAAGTTAAAAGA
AAGAAGAAGAGAAGCGGTTGGCATTTTAACATTATTGTTGTTTTGGCTTTTGGCTAATCTCCAACCTTGTCTTG
TATAGTAATTTATCATCCACAACATTTTACTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTAACTTTTACCCCTTCA
TTTATTTCTTCTATCAATTTTCTAACCGATTAATTATTTCCATTCCCCTAGTGCCAAAGTTTGAATTTCTTTTCT
TTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTCCATCAAGGTGTTGTTGATAGTTGTGATTGATTGCGAGCTTTGTCTTTCTAA
TAAGGATATTTAGAAAACATATTTATACAGGTCTTTTGATCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_710 NM_001049479|Oryza sativa Japonica Group Os01g0338600 (Os01g0338600)
mRNA, complete cds

ATAAGAAAAATTAAAAAGAAAGTATGAAGATAGAAAACAGAAGAGAAAATAAGAAGGCTGCAAAGCGCAA
CAACTTTTCTTCAGCTTAAACTAGAAAGAGAGAGAGAGGTCCAGAGGATGACTTCTTCTTCTTCTTTATCT
CTCTGCCTCTTCTCCCTTTCTTCTTCTTCTTCTCTCTCTCTTAGATTCATCAACATTTCCAATCCCTTCTCT
CCCCAAGCCCTAATTTCCCACTTCTTGTCTTCCAGGCGCCGCTCTTCTCTCAATACATCTCTGTGGATTGAG
GGCATATAAGAGGAGATACAGATGGGGAAAAGTAGTGTGCCTCAAAGAAGAATACAACGCGGATGTTTGA
TTTGATCTAATGATGAGACAGGCACTCAAATTCACCCAAGCCCAATCGATTGTGGAAGGATCAGGTTGAG
TTATGGTTTCTGAATTCAAACAGTTCCTGATGTTGATTATCTACAGGAGTTACTGGCCATTCAACAACAAGGT
CCTAGAGCCATTGGCTTCTTTGGAACGCGAAATATGGGTTTCTTGCATCAAGAACTTATTGAGATTCTTAGCTA
TGCAATGGTTATAACGAAGAACCACATCTATACTTCAGGAGCATCTGGAACCAATGCAGCAGTTATCAGAGGT
GCATTGAGGGCTGAAAAACCAGAACTGCTTACTGTCAATTTGCCACAAAGTTTGAGAAAACAACCTCTGAAA
GCCAGGAATTGTTATCCAAAGTTAAGAATGTGATAGAGAAGCCCCACAATGATCATTTATCTTTAATAGAAGC
TAGCAGGTTGTGAATATGGACATCATTTGCGACGTGCAGCAGGTCAATTTGCTTTGCATTTATGATTAGGTTG
CTCATGGAAACATGTCAAGAGGCAAAAAAATCTCCGAAAATTGTCACGCTTTTTTATCTCGACTAAGAAGTA
GGTGGAATCTGTAAATACATTATTTAACCGATATTACATATTTGCGCTAATTTTGCTTGTAAGTTGTTATCG
TTGATGCTGCCTGCTGGTGCTCAAAGTTTTCCAATCATTGTGACAGTGGAAAAGAGGCCAATTTGCCTTTCCAA
AGAGATTTTTATTTTTATGTTTGATAGCTTTTTTTCTTTTTCTTTTGAATAAAAAACGACAAAGGGGCAAC
CAACCTTCCCTTTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_711 XM_002886264|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata secretory carrier membrane protein family protein, mRNA

ACGCGCCAACATTTTTGCTTCAGTTTTTGTGGGATAACAAACGAGAAACAGAAGCACACACCGAAAGCCAA
AAAACCAATCAAAAAAAGCACCAAAAAAGAAAAAAGAAAGAGGAATTTGGAGATTCATTCTCTGT
TCTTTCCTTCTCCTGAATCTACATTTTCTGTAAGAAACCTTTGATTTCAATCTTATTCTTTCATTACCTTGATTTT
CCTTCAACACAATAATAATACGTTTAGATCTTCCTAATGAGTCGCTACGATTCCAATCCTTTCGACGAAGACGT
CAATCCATTTTCTAATCCTGGAGTTGGAAGTGTCCACCTGCAAACACGAGGCTCTCACCTCTCCCCCTGAAA
CTTATGATCGTGGTGCACAAATTGACATTCCTCTTGATAATGGAAAGGATTTGAAAGCTAAGGAGAAGGAGCT
TCAAGCTAAAGAAGCTGAATTGAAGAAGAGGGAACAGGATTTAAACGAAGGGAAGATGCCATTTCAAGAG
CTGGAATTGTAATAGAGGAGAAAAATTGGCCACCATTTTTTCCCCTTATCCATCATGATATTGCAAATGAAATA
CCGATCCATCTACAAAACATTACAGTATGTTGCCTTACAACATTGTTGGGTTTGGTTGTGTGCCTTTCGTGGAA
CATTGTAGCAGTTACGGTTGCTTGGATCAAGGGTGAAGGTCCAACAATATGGTTTCTTGCGATTATCTACTTCA
TATCAGGTGTACCTGGAGCATATGTTGGGTGGTATCGTCCTCTCTATCGTGCTACAAGGACCGATAGTGCTCT
GAAGTTTGGGTGGGTTTTCTAGTTTACTTGATTCATATTGGCTTCTGCGTCTTTCTGCAGTTGCTCCTCCCAT
TATATTTAAGGGGAAATCTCTACAGGGATCTTACCTGCTATAGACCTGTTGAGCAGTAATGCTTTGGTTGGG
ATTTTCTACTTCATTGGTTTTGCATTCTTCTGCATTGAATCTCTAATCAGCATATGGGTTATCCAGCAAGTTTACA
TGTATTTTCGAGGTAGCGGTAAGGCTGCAGAAATGAAACGTGAAGCCGCCATGGGAAGTCTGAGGACAGCTT
TTTGATATGAACATTAAAAGTGGTTTATATATAATATGCTGAGGAGGCTCAAAGATCAACTCCATCATCTCCAA
CCCCCTACCTGAACAGAGAGAGTATGTGTGTGTGTGTGTGTAAGGAAAATCCATTATTTTGATCACCTTCATT

>trans_s_712 NM_001059243|Oryza sativa Japonica Group Os04g0405100 (Os04g0405100)
mRNA, complete cds

GCTTTGTTAGATCCGGCTCCAAGGTTACGCTTTCTTGCGAACTAACGGTTGCCGGACGGTCGATAGAGGAGA
AGGAAGAGGAACCAAGAAGAGATAAAGGGTCCATCCAGTTCACTTGAGTTATCATAGATGGAGCAGGGGAA
ACAAGGAGTGGTAGTTAAATTGACTCCTCCGAGAACCCCTTGGAGCAGATTGAGGCTCGTTTCAAGGAACTA
GAAAATGGGTTGAGGACCTGGTTGGCCAAGCAATCTCTCCAGTTGAGGCCGCTGTTGTCACCGCCACCAGCG
CTGCGCAGGGCGCTGCTATTGGTGGCTTTATGGGCACTCTACCAACGACGTTTCTTCTCTCTCCCCACTCCTC
AAGCCGGCCTTAACCCTCAAGCCATGGCTTCTTCAAGCAGGCTCAGGCTCTTGCTGGAGGTCCCCTAGTACA
AGCTCGCAACTTTGCCGTCATGACAGGTGTTAATGCTGGCATATCTTCTGTTATGAAGAGACTAAGAGGCAAG
GAGGATGTCCAGTCAAGTATGGTGGCTGCTTTTGGGTCTGGGGCGATGTTTTCTTGGTGAGTGGAATGGGA
GGTCCAAATCAGGCGGCAAATGCAGTTACATCTGGTCTTTTTTTTGCAGTCTGTTCAAGGTGGACTGTTCAAGTT
AGGGGAAAAGTTTTCTCAACCACCTGTGGAAGATGTGTACTATGCTAAAACAAGAAGCATGTTGAATAACCTT
GGACTACAAAGCTATGAGAAGAATTTCAAGAAAGGCTTATTGACCGATACCACTTTCCTCTGCTCACTGATA
GTGCGCTTAGAGATGTCAAAATCCCCCAGGACCAAGGCTACTCATTCTGGATCACATTCAGAGGAACCCAGA
GCTAAGAGACAGATGAAGCTGATTTGAGGGGAAGATCTTGCCCTGTTCTTTTGCAGCCCAAGTGTCAGTACTC
TTTCTAGTTGAACTTGAGTTGGTAAGGGAATAGTATTAGGTCAACTTAATTAGGAAGAATGTGTAATAAATAG
GCCTGTTGTACCTGTGAGAAGTTGATTTGTCAATTCGACTAAGTTCGATTTTGAATGCACCTTTTCGTT
TATATTGGATGACAGAACCATGCTACTGTAGGGTTGGTGGAAGTTTTTTTTCTTTTGTCTTTTCTTCTCT
TTTTGAGATAATGTATCTTGAATGGTTAATCTTCAAATTTGCTGAACCTTTTCTATAAATGCATGTGTGGAGAA
GACCTT

>trans_s_713 NM_001049240|Oryza sativa Japonica Group Os01g0271000 (Os01g0271000)
mRNA, complete cds

AATCGAAACGGATCCGAAGTTTTGATTAACGACTCGGCTGAAGCCATCGCCGCCTATCTATTTTCATCGGACAA
AGTTCCGGCACTTTCTGCTTCGCTCTCGAATCTCGACTTTGAGAGAGTTTGAATTTTACTTGAGCTACTGTTTCCA
TCTATTTACGACACGGCGGAAAAGGGTTTTCTTTTTACCGGGGATCAGTGGTTTACTGGCATTCCGGTGTAAAGG
GTGTTGCCATTTAATTCAAGTCTATAGTCAGATATATACTTGACGATGGAAGTAGCTGAGGAATCCGAAGAAA
CGCCATCAACTAGTACTAAAAAATTGCCCGGAACGGTGAACCTGGGGTACGGCAACAACCTATTGCAGTGTTTGC
AGGCATGCTTTATGGAGGAAGCAAAGAAGCTGCCGCTTCGGTGAGTAAGGATGCAGAAGTTACATTGAAGCT
TGGTAGCACACCTGACAAGCGTGAACAATATAGGTTAATCAGAGATGCAATGGAGAAAAGATTTATCCGAGT
CACACGAGGCTCAATAGTTGGTGGCGTGCGCCTTGGGATGTTTACAGCTGCATTTTATGGTCTACAAAATCTG
CTAGCTGAGAAGCGTGGTGTACATGATGTCTTCAATGTTGCCGCAGCTGGTTCTGCCACAGCTGCTACGTTTG
GTCTAATATTGCCAGGATCGCTCAAGTGGCGTGCTAGGAATGTAGCAATGGGATCTGTCCTAGGTGCAGCATT
TTGCTTTCCTCTTGTTGGATTCTCTAAAGCTTGTAGAGAAAAGCAAATGAAGGTAATGAAGCGCTTGGTTATA
CTAATACAGTTCAAAAAGGGAAAATCAAAGAGTGGTGTGGTGCTGCTATTGAGAGATTGAAGAAAATATGA
ATAAGTAGATTCAATAATCGCTTCTCCATTTTCCAGCATAGCAAGATACCACGAATGAAGTCAAAATGGAGAA
ATATACAGACCATTTCCAACCAGGATTGTTGGCTTTTTTTGCTTGCACTTCTACCATTTTACTGGATTTTCTGGT
GGTTTTGAAGATAATAAGCTGGCCATCCTTGAGGACTACTACCATTTTAGGAAGAAAACGTGTTTTAATCTTAT
TCGTTTCATAGTCAGATGTGAGTCGATTCTTCTTCAAACATTCCCTATACTTATGTTTAGATAGTGACTTTGAT
CGCTTATTATATGGATGTTTAAGATGAATCAAATGAATAAACTGCCGTCTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_714 NM_117409|Arabidopsis thaliana NIG (NSP (NUCLEAR SHUTTLE PROTEIN)-
INTERACTING GTPASE); GTP binding / GTPase (NIG) mRNA, complete cds

TAACTCCCAAGGACCTCTAAGTAATCCAGCAGCTCATGCACCTCAAGATTTTTCAACTCCTGCACAGGCAATAC
CTTCTGGTGTACCACAAACTTCTGCACCTGAAGTAAAGCCTAGCGGGCGAAAAGAGTTACCAGCCGATCTTTT
TACTCTTAATTACTCATCCTACCCTGCACCAGTTCAGGGTGGCATACTGTTCCGCCACGCCCATGGTTTATGC
AATGCCGTATAATTCTGCAATGCCCATGCCAAGTTTTCCACAATCTTCTACATCCACAAATCCATTGATCTCAG
TAGTGAACAACCGCAATTTCTTCCATGGCACCATTGCAAAATGCATTACCAAGTGGGCAACCTGCACCAAATT
TAATACACAATCCCGGCTACGGTAATCCCACATCGACATGGATGCCACACCAGCCACCTTCTAATATACCGCAG
TTACCTCCCCAGGGGCCATATCAACCCACATTGCCTTCGAGACCACCTTACATGGGACAGCAAGTAGCCAGCA
ACGTACAACCTTACAGGCATCCTGGACTTGGGAACCTATGGTAACGAGGGAGCCACTAGTGTGTACACCGATAT
GAGCCAGCAGACAGCTGGTCGATTACGGCACCCGCTACTCCAAACCCTTCTCGTCCACCGGAGGTAACCCA
TTTGCTAGTGAGATAATGGAATAGCCCTGGCATTATTGTCTTGTCTTATTGCTCACCATCCCAAGTCCCTCGG
TGAAAAAGTTTTGGTATCCGTTGCAATTCTCTTTATTATACTATGTTTATCAGTGAGATAAAGAGTCAAAAATTA
TCTTATTGGCACTGTACATTTTGTGATGTCCGAGGGACGAAAAATCTTAAGAGAAAAGAGTGAGAGTAAAAA
AAATATTAGGTTAAAGTGGAGGCGTAGATTATTTCTCATTTCTCTAGGAGGCTACGGTTGGTGAATTTTAGGT
GTTAGTAAGAGTTTCCATTGGGTTATTTGTGCGTTTTATTTTACCTTTTCCCATCAAGTTGTATAATTTTCTT
TTTGTGTTGTTGTATTTAATTTTTTTTCTTTGGTGTTAATTATATGATTTGTTTATTATTGTGAGTTATGATTA
TATTGTTTGGAGAAAAAGTTGTAGCAAACAGATCAAATTGCTGCAGGCTTTCAGCTACGGTTTGTTCGAAG
ATGTTGAAAAATCATGTATGATCTCTCTCTTACTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_715 XM_002306146|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T1.1), mRNA

ATGGTGGTTGTGGTTCTACTACAGCAAAACAAGGCGCTGATTCTACTTCCTTCAATCGAATAAATGCCCCCTTT
ATTACTCTTCTGATTCTTCATTTCCCTTCAATCTTATCCTTTCCTTCATTTTATTACCCTTCCGTTTCTTTTTGTT
CTTAACCTCGAACAGATCGCTATTTCTTCTTTGGGAACAAAATTAATCGCCCCCTCTCTCTTTGTGGGGTTTT
TCTTCTTCTCCTCCTGCGTTCTTTGGTCTGTAATGGAGAAGAGAGGCTATTCTTAAAAGGGATTCTTCCTTTTT

CTTCTTTCCATCTGTTCCCTTTGATTTCTTTGAAATTTGGTGATTTGGGTCAGTTTGAAAACGGATTTTAGAT
GGGGTTGCTTAGTAGTATACTGGGTTTTCTTCGGTTTTGGCTTGGGAACCTTCGATTGGGCTTGTGGCTGGATAT
TACATGTTTCATCTATTTTCAGCCATCAGATGTCAAGGACCCTGTTGTTGCGCCCTTTGGTTGAGCAAGATACTGC
CTCATTGTTGCGGATGATGCCAGAAATACCTCTATGGGTGAAAAATCCTGATTATGATCGTGTGACTGGCTTA
ACAAATTCCTTGAAATTATGTGGCCTTACTTGGACAAGGCCATTTGCAAGACTGTGAGGAACATAGCAAAGCC
TATTATTGCAGAACAAATCCAAAATACAAAATTGATGCTGTTGAATTTGACACTCTAACATTGGGCTGCTTAC
CGCCAACTTTACAAGGAATGAAAGTTTATATGACTGATGATAAAGAGCTGATCATGGAGCCGTGTATGAAGT
GGGCGGGAAATCCAAACGTTACTGTTTCAGTGAAAGCATTGGATTGAAAGCGACAGTTCAGGTGGTTGATT
GCAAGTGTTTGCTATTCCGCGTATCACCTAAAGCCTTTGGTCCCAAACCTTCCTTGCTTTGCCAAAATATTTGT
GTCTCTCATAGATTTGTTTCAGGAATAATAAATATCAAGTTGCCAATATGTATCTATGGCCCAAGACCCTTGA
AGTACAGATAATGGACCCTGCGAAAGCCATGAAGAAACCTGTTGGCATCCTTCATGTGAAGGTTTTGAGAGC
ACTAAAGCTTAAAAAGAAAGATCTATTTGGCGCATCAGATCCATATGTAAACTGAAGCTCACTGAAGACAAG
CTTCCTTCTAAGAAAACAAGCGTGAAACACACTAATTTGAACCCAGTATGGAATGAGGAGTTTAC

>trans_s_716 BT010366|Arabidopsis thaliana At4g12700 mRNA, complete cds

AGTCAGGGGAAGTACCTGCTTTATGAGATGGGTGGAGATAAATGCAAAAGCATGAATCATTATTTGTGGAGC
TTCTTGTTGTTTTAGGTGAAGCTCAGTATTTGAATCGAACATTAGTTATGGATTGAAAATTTGTCTGTCATCA
ATATATACTTCATCAAATCAAGATGAGGAGGGAAAAGATTTTAGGTTTTATTTTGATTTGAGCATCTGAAAGA
GTCCGCATCTATCTTGACCAGGGTCAGTTTTGGTCTGATTGGGAGAAATGGCAAAGAAAGATCGATTAGG
TCTTCACCTTGTTGAGGACTTTGCGGTACACCTATGAACTTGCAAGATGTGAAGGATGCTTTGATATTGAGAA
AGTTGCGATCTGCAGAGCCTGATAATTATTGGTATCGGGTCTGTGAAGGAGAAACGGAATCTGTAGTTAAGC
GACCGTGGCATTGATTTGGAAATCAAGACGTCTGATGGATATAGTATCTTCAATTGCATCAAGATTGAATTG
GGATTATGACTCAGTCCACATAGTAAGAGGCGAGAAAGCAAAGAACAAGGAGCTCTGGCCAAATCTTGCTGC
TGATACTTCACCTGATACTCTTCTGTCGACATTGCAAGACAAGATTGAGGATGGAAGAAACCTTTACATTGCTA
CAAATGAACCAAACACAGACTACTTCGATCCCTGAAAGACAAATACTCTACGCATTTTCTCAATGAATACAAG
GATCTATGGGACAAAGGCAGTGAATGGTACACAGAAACAATGAATCTTAACAATGGTGTACCAGTTGAATTT
GATGGATATATGAGAGTATCAGTAGACACAGAGGTGTTCTTAAGAGGGAAGAAACAAGTAAAGCATTCAAC
GATCTTACAAACGATTGCAAGGATGGCATCAATACCTGCAATGTTGCAACCAATTAGCATCAAACCTGAAAAC
CGTTATATTTCTTGAAATGAGCTATAAAGCGGAGGCCTTGTTTCTGTTGCTTTGAGAATCAATTGATAGATTA
TGAAATGACTTACCTTAATATTGAGTTTTGACTTGCAATAGTAAGTAAAGTTGGATCTTTCTAATTTTTA
AGTTATTGAGGTTGCGTTTGCTGAGTATAATGTATTATATGTTTCAAATTTCCATTGATATTTAGAGACTGCTC
TGAGAATTCATCTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_717 AY104840|Zea mays PCO100726 mRNA sequence

ATTGAAAGTTATCCAAAGCAAAGTTGAAACTCAAATGCTTTTGGATTGAATTGAAAATACTCTCTAACACTTCC
ATTTTCGTTGGAATCTCATTTCCATACCTTCTTCCAAAGTTTGTTGCAATTTTTTGAGAAAGCTCGTCGATTGCC
AATGGTGCGGACGGCTTCGAATCGACGCAAGCAGTTTCATGTGTAAATTTGGAGTACCCAAAAAAATCTGGC
GTTAACAGGCTCATAAAGATCGACAACCGAAAGTTTGAAACGTCTTCTTCATTCAATCCGACTTCATACTTCATT
CCAAAGGAAAAAGAAAGCATTCTGATTCTTTTCTTTCATCCATCCGTTATCTTCTTTTGGGTCTTCCTACTTTC
TTGCCGGTAATACTTACTTATACTATGGAGGGTACAATTATTAGAAGGGTTATTCCGTCAGACAACAGTTGTCT
CTTCAATGCTGTTGGGTATGTTATGGACCATGATAAACACAAGGCTACTGAGCTAAGACAGGTTATAGCTGCA
ACCGTAGCTAGTGATCCGACAAGGTATTCTGAAGCATTTCTTGAAAACCAAATGAGGAGTACTGTTCTTGGA
TTCTTGATTGAGAGAAGTGAGGAGGTGCAATTGAGCTTTCTATACTATCTGAGTATTATGGACGTGAAATAGC

AGCATATGATATCCAGACAGCACGATGTGATTTGTACGGTCAGGAAAAGAGGTATTCAGAAAGGGTTCTGCT
GATATACGACGGACTCCACTATGATGCTTTAGTTATGTCTCCAGCTGAGGATGCTCCAGAGGAATTTGATCAG
ACCATATTTTCTGTGAATGGAGACAGGACGATTGGGCCGATTGAGGAGCAAGCTCTTCATTTTGTTAAAGATC
AACAAAGGAAAAGGAGATTCACCGACACCGCCAACTTTACACTGCGCTGTGGGGTTTGCCAAATTGGAGTTG
TTGGCCAAGCGGAAGCTGTAGAACACGCAAAAGCCACTGGCCATGTCAACTTTCAAGAGTATAGATGACATG
AAGAATGTTGGACAAAATAACTGATTTGATCGGTTTCAGCTTTATCGACTCACTTCTCCAGCTTGTTGAATTGTT
GTGGCATTCTGATTGTTATATGACCATTTCAAAATCTTGATCGCACAGGAAAGTGTAAACATTTACTGACTAGAA
TGTTGTGTAATTGATTAAATCATCATAGAATAAGCTGTGGCATTCTGGCTGTTTTCTCAAGCGACTGATTTT

>trans_s_718 AY143866|Arabidopsis thaliana At1g25420/F2J7_16 mRNA, complete cds

AAGGAAACGGAAGAACTTTTTATAATCGATCGAATCAGCTCTGCAAATAACGCGGCTCGGGGAACCGAAGG
CTCACACCATTCAAATAATTCTTCCAAGGAAGACTGTTCCGACCTTAATATTTAAAGGGCAAAAAGAAAAGAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACAGTACACACACATTCATCTTCTTCTTTAATCTTCAATGTCACTCCTCAATCAACTCTT
TAACAGAGGTGTCTTTGCCGGAATGCAAACTTGCTTGAGCTTAGCAATCTCGCGGATCAAGTTGCTGCAG
AATAAGAGGGATCTGCAACTGAAGCTTATGCGAAAGGAGATTGCACAATTCTTGACAGACAGGGCAGGAACAA
ATAGCTCGAATTCGGGTGGAGCATGTAATACGGGAACAAAACATATGGGATGCATATGAAATTTTAGAGCTG
TTTTGTGAGTTTGTTCTTGACGTGTCCAATCATCGAAAGCCAGAGAGAATGTCCCGTTGAACTGCGAGAGG
CTATTGCAAGCATAATATTTGCTGCTCCTAGATGTTCCGACCTTCCAGATTTGCTTCAGCTGAAGAATTTGTTG
CAGTGAAATATGGGAAAGAATTTGTCTCTGCTATTTAGAGCTTCGTCTGATTCTGGAGTTAATCGATCAATT
ATTGAAAAGCTTTCAGTCAGTGCTCCTCCTGGGGAATAAGCTCAAGGTCATGAAGGAGATTGCTAAACAAC
ACGGACTCAACTGGGATTCTTCGAGCACAGTATCTGAATTTAGTAAAACCCACGAAGATCTGCTGGGCGGACC
CAAGGGAGTACAAGGAGCAGCAGTCTCTCAAACCTCTCAACACAGCTTCTTGAATCCTTCCATTTCTTATGGGT
CGGCACTTCTTGCTGCATCTCCCATGGGAAAGAAAGACCCGAACACCACCATGCAGTCGGCCCAATTAATAT
AATACGAATGAAATCAAACCAGAACTAAAAGTTTTGATGTCAAACCAGAAGTTGCTGCTAAATTAGATACAA
GACCACCACCATCTGACGTATTAGAGAAAGCCAAAGCTGCCATTGCTTCAGCTGAGCGTGCCACTGCAGCAGC
CTGAGTAGCTGCAGAGCTAGCAAATGTCAACCTTGAACAATGAAGTTCGAAGGAGGACAACTTCGGAGTG
CTGAAGACAAAAGAAATGTAATTTATACCTTTGTTTGATACCGGACTCGTGCATAAAGTCTGTTTGATGTTAGT
TGAGTCT

>trans_s_719 NM_116386|Arabidopsis thaliana MEE49 (maternal effect embryo arrest 49)
(MEE49) mRNA, complete cds

CAGGGAGGTTGATGAGACTGTTTGCAAACCTGATGATGAAGAGCTATTTGCTGGAAATGATGCTGATGAATTT
AGTTCCATCATAAAGCGCGACATTTTGCCTAAAGTTCTAATTACTACTTGTCGTTTTAATTCTACCATTGGTCCA
GCTTTTATATCAGAGTTGCTTTCGGTGATACCAAATGCACATTATTACAAGAGAGGGACTAACGATTTGAAGA
AGATTATAGAATATGCAAATGCCAAGGACTTCACTTCTTTGATGGTTGTCCATACAAGTAGGAGAAAATTGGA
TGGACTTTTAATTATTGGATTACCTGAGGGACCTACTGCCATTTCAAGATTTCAAATGTTGTCTTACGTAAGG
ACATTAAGAATCATGGAAATCCAACGGGTCATCAGCCAGAAGTTGATTGACCAACTTCACAACACGCCTTGG
TCTTCGTGTTGGAAGATTAATACAATCACTATTCCCTCAAGATCCCAATTTTCGCGGTCGCCGGGTTGGAACCT
TTCATAAGCCAACGAGATTTTATATTTTTCGGCATCACCGATACATTTTGAAGCAAGGAAAATAAAAAAGA
GGCTGACTCAAAAAAGAAGTCCAAGGATACCAAGGGTGAGAAAGTTCCTCAGCAGAAAGTGATTGCTCGTCT
TCAGGAATGTGGTCTCGGTTACAATGAAATTGATCAGTTTGAGCATGGAACCTTCGATTCGAAAGGCGGG
GAATATGAATGGGTTTATAAGCCTGAAATGGATACAAGCCGAGAAAGATTTTCTTGACATTCTTTGGTAG
TTCATTACTCTGGTCGTGGGGAGTTAAAAATTGTTAGCTCTAATTTATATAATATTTGGGTGGAATGGTGGA
GTGCCGATCAATTTCAAATCTCCATTTAGCCTTCATGTATGTTAGAAGTTGATTTCTTTTGCCTATTCAAAAT

TTGTAGCATTTGCTGAGTTTGTTCCATAGGTATCAATCAATCTAGTAGCTGGCAATTCAAAAGAGAAAGCCAT
AATATTTATTTCTCTTATTTAGGGGGGTGCAAGGGTTGATTCATTAACCTAGAGAATGCAAATTTGGGATGCTA
AAGTTGAAAGATTTCGAGTTGAAATATTTTACAAGTTTATAAACTTATTAATAAAAAAACTCACTCAATTAAGT
CCTAACATATAGTTTAATTGAATTGCGGCTTTCTTCCCTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_720 AF367319|Arabidopsis thaliana AT5g59960/mmn10_180 mRNA, complete cds

AAATCAATCAATCATTATTCATTCCCCTTCTCTTTCTTTACATTTTTCAACTTTCTTTCTCTGAACTCCTTAG
ATCTTCTCATTCTCAATGCATTCTTCCCATTCTTCTTCTTTCTTGTGCTGAACCGTCCCCACTCTTCTACAT
AACCTCACTCTTCTCCTCTGCCATTGATCCATATTAGTTAGGGTTAAACCCCTTCTCCATCATCGTAATGTCTCG
GGCGTTGACGCCTCGGAGTTCTGCTTATCTTAGCGCTTTGTCTCAGCAGATTGAGAAGAAGCTTCAGCGGGCA
TTAGCTTCTTCATCACAGAGGCGAGATGTACTGCAAGAATTATTTGCTGATATAGCGCTAGAAGTCGATGACC
GAGCCAAAGAAATAATTCTCAGCACGGAGGAAGATGCGATTGCACCTGTGGAGCATGGAATGAACGATCCAT
TATGCTTTTACGATGTTCTTGTGATTACTATGTTCAAGTGCCAGAAAGCGGGAAACCAATCCTCGATTTGATT
GTCAAAGTGTGGAGCCAATCATTTACATGTCATATTTTACCCTCTTATTCCACAAATGGCTCTTTGAAATAGAA
ATTGAAAATTCTGATGAAGTTCACCTGCGTAATTCATCAGCTCTTGTTCAGGTGCCGCAATATCTTCTGGCTT
GATATTCAAGCAAACTACCAGATTTAAGTCTCTCTTTCATTATCTTCTGAAGAAGTTGCATTTCAACCCGCC
AGATTGAACAAAATCCCATACAGCAATTTCTCCGTTCTCAATGCTATACTGGTTGGTGGTCCAGCTGATTT
GTTTGTGATTGAACTTACTGATCAGATTCAAAAGTTGAAGGTGGAACCTGTACTGCTGCATTATCTTTCACGCC
TGATTGTTCTCAAGGTATGGAAGTCAAGATGACCACAAGTACAAGGCTAAAACTGTTTGTACAGCTTTACC
TCTCCCGGTGGTCCCATGTACCCAACAGAGCTGTTGACATGCTGCGTGGGATGCTCTGGATTTGCTGTTCCC
AGTTGGACGATATCTAGGCATCTTATAAGCCTATTTTTCAGATTACTGTATCCATGGTACTGGCCCTCATCTTG
TTGGAAGTTCGTAATATCATGTATAAGGGCAGTATTTCTTCTTGTTCGGCTCATCTTTTCGAGATTTGAGAA
TCCTAAACAGCACAAAGTCTTACTAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_721 NM_001051245|Oryza sativa Japonica Group Os01g0833100 (Os01g0833100)
mRNA, complete cds

TTGGCTTTCTTCTCCAGATCTTTGTTTCCATCCTCACAGCTTTTGGACACCTTCGTCTTCTTCTCTCATTCTTCT
TCCTCTCCGTCTTTTAAACCTTTGCCCCGTCGTTGAACTTCCTGACCATGAGTTGCTTGCCTCTGCTGTTGATA
TTGCTTCTGTTGAAGACGAGGGCGAGTCCGATGGGCTTATGGAGAACTGACGATAGTTCTCGACTTGGATG
AAACTCATATGTGCATATGAAACATCTACTTTGCCTGCTATTATTGCGAGTCAAGCAATAGAAGCTGGATTG
AAGTCTTTTGAAGTTCGAGTGCTATTCTTCAGACAAGGACTGTGAAGGGAAGCCTAAGGTCAACTATGTTACTG
TCTTTGAGCGGCCCCGTTTGCACGATTTCTTAAACATCTAGGTGGATTTGCAGATCTTGTACTCTTCACAGCT
GGTCTTGAAGGGTATGCAAGACCTCTTGTGACAGGATAGATGAAGAAAATCGATTTAGTCTTAGACTGTACA
GGCCTTCAACGATTAGCACGGAATACCGAGATCACGTGAAGGATCTATCCTGCCTATCAAAGGATCTAAGAAG
AATAGTCATCGTTGACAACAATCCTTTAGTTTTTACTCCAACCTCTAAATGGAATTCCTTGCATTCCATTTCT
GCAGGGCAACCACACGATTACAGCTCCTAGATGTCATTCTTCCACTTCTAGAGCACCTATCGCAGCAGAACG
ACGTCAGGCCGGTGCTGTACGAAAGATTCCATATGCCTGAATGGTTTCAGAAGCATGGAATTCACCTACGT
CAAATAAAGATTTGTGCAAGAGAAAAGGTACATTCTTCTTCTGCAACATGTCAACAGTTGACATAGTTAGCT
TGTTCAAAGGGCAGCACCTTCATAAGTCAGATGTTGATTCTTGAAGTTTTGTATAGCTCCACCATGTTGTACAT
CATGGATATGATCCCAAATAGTTTCATCCCATGTTTGAAAATTATATATAGTTTAAATTTGTAAATTGTGTA
GGAATTCTGATTTGTAATTTATTCATGCAATGCTGTTGGATATGTTTGTAGGAATTTCTCAACCTTTTACCAAT
AAATAGTTTGAGTTTCTCGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGACCACAAAAAACTAAAAAACTTAAAAAACCAAGGAGCGCC

>trans_s_722 NM_117625|Arabidopsis thaliana BARS1 (BARUOL SYNTHASE 1); baruol synthase/
catalytic (BARS1) mRNA, complete cds

AACCCACCCAAGTCCTCAACCCTACATAGATAGATAGAGAGGAATAGAGGGAGAGATTAATGAAGAGAAGG
CGAAGACGATAACGGCTAACGGCGAATTCCTTGACATCAAATGGCGCTGCCGGCGTCAATATCACTGCCCTCC
TTATCATCCACTTCCAGGATTATACTATTCAAGGGGAAAACAACCTCTAATAGCTGTTTCCCGTTGAATGGTGG
TCGCCGAGCTACCCCTTACATCTTCAGTGAAAGTAAAAATGGCACGGTTTATGGATTCTAATTTTCATGCCTATAG
AGATTGAAAATCTAAAAGAGAAGATGCAAAAGGTTGTACCTGAACCCGTTAAAAATTTTCTTGGAAGGAAG
CAGAGAAGATACTGGTGGAGAGACTGGTTTTTATGGGGAAGGAGACACTGAAGTGGTCTCTTCTCTTGTTCTT
TGTTCTTAGCTCCTTTTCAGATTTTGTAGCATCCATAGTTAGAAACCAGGAGTTACTGATTCCCATTGGTCTCTT
TATTGGTGTCTTGTTGACTGACCTTTTAAAAGAGATATCTCAAGAAGTGGTGGCAACTCTGAGGAATCAAGCT
TCAAGAAACAACCTTGATGGTATCGGTTCTTCTTCAATTCTCGTGAAGCTAATTGTTTATGGCTTGCAATTCAAG
CACAGTTGTTTTCTCTGCATGTTGCAAATGGTGGCTTAATGCAAGTTTTGTGGCTGTGGAGAAATTTACCAAA
AGAAAGAAATCAACCGAATGAACAGAGCCCGTTCTAGGGCAAGGTACATCTTAAACATGGATGAATAAGAT
TGTTTCAGATGTTGATATTTGCTTCCTTGAAGAATTTGGTCGCATGTAAGGATGGGAGAACAATATTATGAT
ATGTATCGGAAACTTGTTTATCATTGGAGACAGTGGCGAGCCCGGCTATGTATGAGTAGGTTTTCTTTCTCTT
TTGGGTTCAACAACGCATGAAGTAGTAGAGAGATTTGAACCTTTGCCTACTCGGTTGAAGGCATTTTCTTAGAC
CAATTGAGTTATGCTCAGGTTTGCTTGATGAGTAGGTTGTATCAAACTCTAGCTCTTAGAGGTAATGCTAGC
TAGGTATTGTGTATCGGCTGCATAATCTGGTAATGAGCGATATTTGGCACCGTCTTCTTTAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_723 NM_001071491|Oryza sativa Japonica Group Os10g0497000 (Os10g0497000)
mRNA, complete cds

AGATCACGGCTTGCTCCGCTAGTGTTTTGACACCTACTGTGCATGGACCAAAAAAGTTCATACCAACGTAAT
TCCATTATTATGTTCCATCTTTTTGGCCAATCAAGGAGCAAGTGACGGAATTGGACAAGGGGAGTCTGCGCCA
TGGAATGAAAAGGTACCTCTTCTGGAAGGTGAAAAGGAAGCTGAAAAATGATTGTTGAAGCTTATTCAGCG
CTACTTCTAGCATTTCTTTCAACTGAAAGCCAGCGCATACGAGATGCCATTGTCTGATTGTCTACCAGATCACAG
CCTAGCAATTCTTGTTCCAGTTTTGGAGCGATTTGAGGCATTTCAATTGACGTTGAACATGATTTCTCCGGAGA
CGCATAAAGCCCTAACTGAAGTGATTGAATCATGTACAAGTTCTGAGAATTAAAGCATGAAAACCTGTAA
TTCTTCACCTTCATTAGTTGAATTGCTTATCCTTCCTTAATTGATACCATACAAATAGAGAAGCTTCAACATACA
GAAGAAGCCATAGGGCTTATCGCTAATGTTGTTGTCTGATTGACCATTGTTCTCTTCTGTCTCCCCATCAGTTG
GGGCTTTTTTCATAAAATTTTCAGAGTTCTTTTCTACCCATTTTGAGTTTTTGTGTTTGTAGCCTTTCTCCTTCC
ATTTTATCTTCCTTTTCTTCAACACCACCATTGTAGCTTATGATAAGATGCTTGTATACGAAAACTATAGTGG
AATGAAATCATTATTCATTTTCGAGTTTGTAATTTACAACCTCATGTCTTCCTTCGTGAGTATCAATGTATTTTTC
TTTTTGTGTTTCAATCTCTAATTTAATGTATAACTCTTTCTTCAACAACAATCTACAATTTTGAGATTTTCATTCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTT
ATCAATCCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCAATTTCCCCAAAAGGGGGCCTAATTCCTCCGCCCCC
CGGGCCGTCTTTTACAACGCCGGGCGGGGAAAACCCCGGGGTTTCCCAATTAAATCCCTTTGAAAAAAC
CCCTTTTCCCCAGGGGGGAAAAAACAAAAAGGCCCCCCCCCCAACCCCTCCCCAAAATTCCTCCCC

>trans_s_724 NM_001056562|Oryza sativa Japonica Group Os03g0334000 (Os03g0334000)
mRNA, complete cds

TTGTAAAGGAAACGGTTCTGATAATGATGGGATTTATGCTATGAAAGTGATGAGAAAAGATACTATTATAAAG
AAGAATCATGTGGACTATATGAAGGCTGAGAGAGATATTCTCACAAAAGTTGCTCATCCTTTCATTGTTTCAGCT
TCGCTACTCTTCCAGACCAAATCAAACTTTATTTGATTCTTGATTTCATAAATGGGGGACATCTCTTTTCCAT
CTGTACAGGCAGGGGATCTTCAGTGAGGATCAGGCAAGAGTCTATGCAGCTGAGATCGTATCGGCTGTTTCG
CATCTTCACAATTGTGGCATTGTGCACCGTGATCTCAAGCCCGAGAACATTCTCATGGATGCTGATGGACATGT
AGTGCTTACTGATTTTGGACTGGCCAAGGAGATTGATGAATCAAGTCGGTCGAATTCGTTGTGTGGAACAACT
GAATACATGGCTCCAGAAATCTTGCTTCCAGAGGCCATAACAAAGATGCTGATTGGTGGAGCGTTGGAGTCC
CCTTGTATGAAATGCTTAGTGCCAGCCACCATTACACACGCCAATAGAAAGAAGCTTCAAGAAAGAATAAT
CAAAGAGAAAGTGAAGCTTCCGCCATACCTGAGCACTGAAGCTCACTCTTTGCTCAGAGGGCTGCTACAAAAG
GAGCCGTCTAAAAGATTAGGTAGTGACCAAAGGGAGGGGATGACATAAAAAACCATAAATGGTTTCGACCT
GTGAACTGGAAGAAATTGGAATGTAGGGAGCTGCAACCGAAATTCAAACCGGATGTCAGTGGAATGACTG
CACAGCAAATTTTGACCATTGTTGGACAGCAATGCCCCGGACGACTCACCAGCTCCAACCCCAACAGATGGT
GGACACTTCCAGGGATATAGCTATGTTGCTCCTAACCTTTGGCTTTCATCATCTGGATAGAATTGCTGATCATG
GTGTTTTCACTATATAATGGTAAATGCAACTGTACATGAGTCCTATACTGCCACTGGATTATTGCTTGTTTCACA
ATTGAGTGACTTGCAATCGTTCATATACTGTCAAATGTTTGTGTTGATTCAATGTGACTTCTTCTAGACCTCCAA
GTTCTCTGTCTCTCCTGTGATCAAAAGTACTGTTTTTTTTTTTTTTTTTAACTTAATTTCTTTGCAAATACTCT
TGTCAAGTGTTAATGAAAGTTGATTTACAATTTGGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_725 NM_001060089|Oryza sativa Japonica Group Os04g0561700 (Os04g0561700)
mRNA, partial cds

CAATTCTGTTGCTGATGATTGTATCAACCTTCACAAGAAGTTATTTTCTCAAGAAACGATCAAAGAACCAT
GCCATTTGGCTCTAACTTGTTATAGAACTTCGATATACATGTTTGGCAGATATATAAAGTATTCAAGAAATGTG
AGTCAGACACGTTGGGTAATTGGTGAAGAGAGAATGGGAGAAGCATCTGTGAGGAGATTCTAGGCAACAA
TATTCTTCCCTTCTGTCGAGGTGATAGTTACAAGTTCATGCTGCCGGTAGAGAGGATCTCGATGTTCGAATGT
TGGGTTTCAGGTAGACCTTCTTGTTGAAATACAGAACGCACGCTTCTCCCATCTGAGATGATAATAAATGAA
ATAAAGTCAAAGATAAATAGTCCAGAACTAAATTGGTTGGCGTAAGAAATCTGAAAGTTGTAGGCAGCGAA
GGTTGGGCCCTGGTTCAAGAAGGAGAAGCAGAGAAGCAGAAGCAATATGCTGCACTTGTGTGGACATCTCGC
CCACTCGAGGATGACGATTTTTATCAATATCATCACTCAAAGACTTGAAAATTTGCAAAGAAGTCCAATAAG
AGTGCTTCATCGCCGAAGTCCATTAACCGTGAAAAGATCATCCACTGGATGAAGATTGAGAAGGTTGCTAAA
AGTTCTCAATACTATCTCCTACATTTGTGTACTCAGGCTGGAACATACATTAAAGAATTCGTCCATGGGGATCT
TGGTCGGACTCATCCCAGTATAGGATCTATTCTTAGTTGCCGAGCTGAGATTCTTCAACTTGACGTTACGGATA
TAAAAATGGACTGCCATTTGGCCGAATAAAAGAAAGGTTTGGTCTTAAGGTTCAATCATAGAAGAAGGAGAA
GGATGAGATTCACTTTGGTGCCCTCACATGCCCTCCTCCCGTCCGTCAATTTGGTAATTTCAAATAGATTTATT
TGATTTGATAATTTAAATGATTAACCTAACTTTCTTTCCCATTTTCTTGGGGGAATCATTGTTGGAGGT
CGTATTGAATTTATGAGTGCTATAAAGGGGAGGGTCAAGACGTACTTTCAAATTAAGCAATGTGGCAATGTAT
TGTCAGTAAGGTTAGTTGGTAACTCCTTTATTTTTTAGACTAGATTATGATATCTTTCTTTTGTAGAGAGT
AGTTTCGCCCTCATTTTGTCTAAATTAATTTATTGTGGTCTATCTCGTTAGGTAAGGCAAGCCCGGTAGGG

>trans_s_726 XM_002312148|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR945-2), mRNA

ATTGATGTTTACGAAGGTGGCAGTAAGGATGGTCTTCCTGGTTTACAAATTTACACCTTACTAATGAACACAAC
TGACATTCAACAAGAAATTTGAATAAACTTCACAAGATAATGGCTCAATTCCTGGATACCCCTTGAGTTAG
AACTCCTCATAACCTTGGTTCAATACATCCTTGGTTAGTAAAAACCGCAGTGTGTGCCAACAAATTTTCACTG
ATAGAGAAATGATGGAGCTAGATAGATACAAATTTGATTTGAGGAAAGGATCAAAGTGATGTTTGTCTGAA

TCTTGTGTATCGTGTCTGTCGAAGAAGGAAAAAATTTTGATCTTCTGCCACAACATTGCACCCGTCAGACTATTTG
TAGAGCTGTTTGAGAATGTGTTTAGGTGGAAGAGAGGCCGTGAAATCTTGGCCCTCACAGGAGACCTCGAGC
TGTTTGAACGAGGTAAAGTGATGGATAAGTTTGAAGATCCAGTGGGGCCATCCAAAGTTCTTCTTGCTTNCAT
CACTGCTTGTGCAGAAGGCATAAGTTTGACAGCAGCTTCACGAGTCATCCTACTAGACTCGGAGTGGAATCCT
TTCAAGACAAAGCAGGCCATTGCTCGAGCTTTTCGTCCTGGCCAGCTTAAAGTGTTTATGTCTATCAACTACT
AGTAACTGGCACACTGGAAGAAGACAAGTACAAGAGAACTACATGGAAGGAATGGGTGTGAGTATGATTTT
CAGTGAGGCATTTGTGGAGGATCCTTCTAAATGGCAAGCAGAAAAGATTGAAGATGACGTTTTAAGAGAGAT
GGTGGAGGAAGATAGAGTCAAATCATTTTCATATGATTATGAAAAACGAGAAGGCTTCTACTGTGATCAGGGA
ATTAAAGGACTAGCACCTCAATATCATTCTCAATGGAAGTAGAAAACCTGTACTATCAACCTCGAAGTCAGAT
GTTTCGATTCTCCCTCCACATATCATAAACAAAAATAAGCTTCATCAGAAAGAAAGTTTGGTTAAAATATTGT
TATGGTCCATTTATTTTAAAACCTGTTCTAAATAGTTCATGTATTTCTTAGGGTTCAAATTTAGTCGATGTACTTT
CTAATTAGTTCATGTATTACTTTCTTCTTAATTTCTAACGTGAAGTCTATTAGTCTTTTGCCTATATACTTGTTTGT
GTCTTTTCTTTAATTAAAATTATCGTTATTATTTTCTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_727 AF064786|Carica papaya beta-galactosidase precursor, mRNA, complete cds

AGGGCAGTGTGCTGCTCTTCTAGCAAACATGATCCATCAACTTCTGTAAGAGTCATCTTTGGAAATCATCCAT
ATGACCTGCCACCTTGGTCCGTCAGCATCCTTCTGACTGCAAACTGTCGTTTTCAACACTGCAAAAGTCAAT
GCTCCATCCTATTGGCCTAAGATGACGCCAATTAGATCATTTTCATGGCATTACATAATGAAGAACTGCTTC
TGCGTATGCTGATGATAACAACCACCATGGCTGGGTTAGTAGAGCAAATAAGTGTTACCAGGGATGGAACAGA
TTGTTTGTGGTATATGACAGATATAAGGATCGACTCGAATGAAGGCTTCTTAAAAAGTGAACAATGGCCTCTT
CTCACCATCTTTTCAGCAGGGCATGCTTTCATGTGTTTCATAAATGGCCAACTATCTGGAAGTGTATATGNNGG
GGTTGGATAATCCCAAATTAACATTCAGCAAATATGTTAACTTAAGGCCAGGAGTTAACAAGCTTTCAATGTTG
AGTGTTGCTGTTGGTCTCCCGAATGTTGGCCTGCATTTTGAGACTTGGAATGCTGGCATCTTAGGTCCTGTAC
ATTGAAGGGTCTAAACGAGGGTACAAGAGACATGTCTGGATATAAATGGTCTTACAAGGTTGGCTTGAAAGG
AGAATCCATGAATCTTCATACTATTAGTGGAAGTAGCTCTGTTGAATGGATGACAGGCTCATTGGTGTCTCAA
AAACAACCGCTCACATGGTACAAGACGACTTTCAATGCTCCGGGAGGCAATGAACCGTTAGCTTTAGATATGG
GCAGCATGGGTAAAGGTCAGGTATGGATTAATGGTCGGAGCATCGGACGTCATTGGCCTGCATATACTGCAC
GAGGTAGTTGTGGCAAATGCTACTATGGTGGAAATTTTACTGAGAAGAAATGTCATTATAGCTGTGGAGAGCC
CTCACAAAAATGGTACCACGTTCCCTCGAGCTTGGTTGAAACCGAGCGGAAATATCTTAGTGATTTTTGAAGAA
TGGGGTGGCAATCCTGAGGGTATCTCTTGGTTAAGAGATCATGATTACACAAAAGAAAACTTTTCATATTG
AGGCTGCCTACAGCTAAGCTCAACCATGCCTCATATTTCTCTAGTTTTACTATATACACATAGATTCTCGAA
TTATAAAGTTCATCTCGAGTTGCTTGAACCACTCGCCAACTCGGGCTAGTAGCTCTGCGTCTCAGACCGAACG
T

>trans_s_728 NM_129519|Arabidopsis thaliana glycosyl transferase family 2 protein (AT2G39630)
mRNA, complete cds

ACGCCCTTGCGAGGAGGGGACTCTGAGAGCGCGATCGCCAATGGCGTCTCTATGGCCTTTGATGGAGGTTCT
CATCTATCTCCTTCTCGTTGCAGCTTTTATATTACTCTCCCTTATCCTCTTGAAGCTAATAGAAGAAGGCTTAAC
CACTCCACGTTGAAGCTCCTGCGGTCTTTCTGGATCCTATTACGTCCACGCAGGTTTCTTGTCTTCCATCTTC
GATCCGGCTGAGAAGTATATTTCTTTGATTATTCCTGCATATAATGAAGAGCAGAGGCTTCCCGGTGCTCTGCA
AGAAACCATTGATTATCTTCAAGAACGTGCGACAAAGGATAAATCATTCTCATATGAGGTGCTTATTGTTGATG
ATGGAAGCATTGATGGGACTAAAAGAGTAGGTTGGGAATTTTCAAGAAGTTCTCAGTTGACAATGTGAGAG
TTATTCTTCTTGAAGAAATCATGGAAAGGGAGAAGCTATTAGAAAAGGGATGTTGCATTACGTGGTGAATT
ACTTTTAATGTTGGATGCTGATGGAGCAACCAAAATTACCGACCTAGAAAACTGGAAATCAGATCCATGCC

TTTGCCAAAAGGAATCTATTGGCTCTAATTTTAGAGTTTCTGATATCCCTGTTGCTACTTTTGGTTCTCGTGCT
CATTTGGAGGAAAAGGCTCTGGCTACAAGAAAGGTGTACCGTAATTTCTTGATGAAGGGTTTCCATCTTGTGG
TTCTTTTAACTGCCGGTCTGGAATCCGTGACACTCAGTGTGGTTTCAAGATGTTTACCAGATCTGCAGCTAGA
AAGCTTTTCACAAATATTCGTTTGAAGAGTGGTGTTCGACGTCGAGATTGTTTATCTGTGCAAGCGATTTC
TATTCCAATTGTTGAAATATCTGTGAAGTGGTCCGAAATCCCTGGATCAAAGGTAAATCCATTGAGCATACCCA
ACATGCTTTGGGAGCTGGCTCTCATGTCTATGGGATATAGGACAGGTATGTGGAGACTTCATACATAACCTTC
GAGGCGATAACCACAATTATCTTGATGATAAAGAGTGTTTATTTAGGAAACAAATACTAGCACAAAATATTTA
GTTTTATACGCACACAAGTTGTGACGATCAATTTTCATTTATGTAAATATTGGGATGTTACTACTTTTATTCTT
TACCTTCACCAGCTAATCAATCGGATGTCAAAGTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_729 M90504|Glycine max RNA polymerase II fifth largest subunit mRNA, complete cds

ATTTTTCATTCTCATTTTGCCCCAAACCTTGACGCAACTCAACCCCTCAGGCCTTCAGCGCTCGCAATCCCTTC
GGCATTGAGACCTTCACATTCCGGCAACGTTGAGAACCACTCGCACGTTTCGGACATCACATTCCGGCGAACGT
TTCGGCCTTTGCTTTCAATCTCACTCTCTCTTTGCCCTCTTCCTGCTTGACGCTTTTGCCGCTCCGCCATCTCTCT
CCGCTCAGCGCCACCGCCGCTCCTACCGGAGTTGCATTCAATTGAATTCAAGTGGTTTTCTTTAGTTAGAGGA
AGCCAATATGTTTTTTCATAGTTCTGGAGAGGAATATGCAGCTACACCCTCGCCACTTTGGCCGTAACCTAC
GTGAGAACCTGGTGTCCAACTGATGAAAGATGTTGAGGGCACCTGCAGCGGCCGGCATGGGTTTGTAAATTG
CAATCACAGGAATTGAGAATATTGGGAAAGGATTGATTCGCGATGGGACTGGCTTTGTCACTTTTCCCGTGAA
ATACCAATGTGTGGTGTTCGACCATTCAAGGGAGAAATTTTGAAGCGGTTGTTACTATGGTAAACAAGATG
GGCTTCTTTGCTGAAGCTGGACCTGTTCAAGTTTTTGTTCAAACCATTTGATACCAGATGATATGGAGTTTCA
GTCTGGAGATGTGCCAACTATACCACGTGAGATGGATCGGTTAAGATTGAGAAGGATAGTGAAGTTGATT
AAAGATAATTGGCACTCGAGTAGATGCAACTGAAATTTTTGTATTGGAACCATAAAAGATGACTTCTTGGGT
GTGATCAATGACCCCTCAGCGGCTTAGGTCTTCATCTTTGATGCAAGTTTGTAGATTGTTATGTATTAACCTTGA
CATTGATAAAAGAAAATCTAATTTTGCTGTATAGGCTCTGTTTTTTCAACCGTTTATCCATTTATTTCTAGGGG
GGGTTAAAATGAGAAGTATATTCTAGGGTTAAATTATAAATTTGAAACCTTACAGTTTCGGGAAAGGCTATA
ATGTAATCTATTATGTTGTTTTAAAGTTTTAACCTTCATGGTTAGATATAAACTCTAAATAGTCATTGTTGTTG
GATACAACTTTTCATGAATAATCTCTACAAATCTATATTTTTAATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_730 XM_002321564|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ACTTCCCATTTCTCTCAAACCCATTCTTCAAATCCTCTCTTTCTCTTTCTCTTTCCCTCTTATCTCTTACCCAT
TTTGTGTTGTGAAGTTGCCTCTTCTCTTATAAGTAGAGCAACTCGAAGAAGAGAATTAATGGAGTAACTGTGAA
AGTGAAGTTGTCCTCTATCTATCCATCTTTGTCTATCTCTCTCATTTTTCTTTCTTTCTTTCTCTTTCTCATTTT
ATCATTATGGGTCTTACTTCTCTTCAAGTTTGCATGGACTCTTCTGATTGGCTTCAGGGTACAATGAACGAGGA
GTCAGGGATGGATTCTTCGTCGTTATCGGGAGATATGCTATCATGTCCAAGGCCATTAACAGAGAGGAGATTA
AGGCCACAACATGATCAAGCTTTGAAATGCCAAGATGTGATTCAACTCATACCAAGTTTTGCTACTACAACAA
TTACAGTCTCTCTCAACCTCGTTACTTTTGCAAACTTGTAGAAGGTATTGGACTAAAGGTGGAACCTTAAGAA
ACATTCCTGTTGGTGGTGGTTGTAGAAAGAACAAAAAGTTTCCACTACAAAAAATCCAATGATTCACAACA
ACAACAACAACAACCACAAATTCAACAACCCATTTCTCAAACCATCATCTTCTTCATGGCCCTTCTTCATCTTCA
TCTTCTTCACTTCATCACATTATAATCCCACTGATCTTCATCTCTCATTTCCAGATCAAATTCATTTCCACATTT
CAATCCTCTCACTCCAAATTTACCATTTGGAATGCTTGAACTCATCATCATCATCATCAACAACTCGTCC
CATCGACTTCATGGACACAAAAATGGAAGCCATTGTTGGAAATAATGGTCATCATTACACTACAAACACCGAT
CATTTAGCCATGGTTGGTGGGTTAACTAGTGATCATCATATTACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCAACAAA
TTTCATGGAATTTGCTCTCCTTATGGACTTTCATTGATGGGAATAATATCAATCAAATGATGATTCCTTATGA

TCAACATCAACAAAATGAAGATCCAAATGGAATGGATGTTAAACCAAATACAAAGCTTTTGGCTTTGGAATGG
CAAGATCAAGGAAGATGTTTCAAGAGAAAGTTGAATCTTATGGATATATAAATGGAATTGGGTCTTCATGGAAT
GGGATGATGAATGGATATGGACCATCAACAACCAACCCATTGGTGTAAAACCTG

>trans_s_731 XM_002868180|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AGCTCCAGTGGCAACGTAAGCGTTAGAAGTAGTGTGAGCAATGACACCGGTGTAAATAAAGAGATTAAGAAT
GATCTTAGGCTCTCTCCATAAGAAATCTTTGGCTCCAAGTCAAGCTAGTCGGGATGATTATGAAACCGGAA
CACAGAGTGTGAGTAGCTTCAGTAGTCCAAGCCATGTGCATGAGACAGTCACTCTGAGTCCTCTCCACATGG
TAATGGTCTGGGTCGTTTTAGTGCCGCTTCATCTCTCCAGTCTAGTTCCTGAACGCCCATATGCTTCCAAAGG
ATCCTACCCTATTGTCACTGACTCAAGATCACATACCTCTGGGTTTGATGAAAAGGTTGCTCAGAGGGGAAAC
ACTACTGATCCATTACTGCTTTTCACTCCGACTACTTCTCTTCTCAGAGATGTCAGAAAGACATCAGTCGTCTGG
GACCAAGAAGCCGGGAGGTATGTCTCAGTTCCTGTATCAGTTCAGAAAGTCGTCTCTCGATCGTCTGTGC
AGATAGGTTTGCCAAATATAAATGCAGAAACAAGCAACAATGCAAGAAAGCCGATTGCTCCACTGCAAGCTA
CATCATCTTCAAACACAAAAGCTCCATTGCAGCAAGCAGAGAAGTTAATGTACACAGGAGAATCCATTTTCTTC
GGTGGTCTCTAGTGAATGTCCCTTCTCGTGATAATCTGAGAAATGAAAGAGTCTCGACTTCAAGAGAGAGCC
AAGACAGAATGGCAATGAATCTATCCCGCAATCGAGATTTAAAAGAGACTCGGCTTCAAACCAACTTCCTGT
TTTTGTACCTGGTGGTTATGAACAAAGCCGTCCATCTGGTTCTCGTTAAGGTAGGTAGGCACGAACGTTGGT
CGATCTGGAAGCATATGATTTGGCTGCCAAAAGGTGTAATTAGAAAACATTCTCCTATCCGCAAGTTGGAAA
CAAAAGCCAAAAAAGATGGAATCTATTGTTGGCTCCGAAATCTTGCAACCTGGCATTGTTGGCAAACGTGGTT
GGTACATATGAAGGAGTTTCTCAAGAATGCATTTTGATTAACACGGCTTTAGGTGTAATTTGTAATTGAGGT
GGGGATCGCTCCTTTTCTCCATCTCNAATTGTAGCCTAAAGGATATTCCTAGTTTTTTATTCTTAGCCTCTGA
ACTTCATTGANGCATTCCATGGAATTATTATCTAGTTCGCTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_732 NM_115073|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein
(AT3G52140) mRNA, complete cds

TGCTGCAACTTTCATAAATGTTGCAATGATGTACCAGGATATTGGAAAGATGAATACTGCTCTTCGTTATTTGC
AAGAAGCATTGAAGAAAAATGAAAGACTTCTAGGCGAGGAACATATTCAGACTGCTGTTTGTACCATGCTCT
TGCTATTGCATTCAATTGTATGGGTGCCTTTAAGTTGTCCACCAGCATGAAAAGAAAACCTACGATATACTGG
TGAAACAATTGGGTGAAGAAGATTGCGGACGCGAGATTCCGAAAATTGGATGAAGACATTTAAGATGCGTG
AGGTACAGATGAATGCTCAGAAACAGAAGGGCCAAGCTTTGAATGCTGCCTCGGCTCAAAGGCCATTGATC
TTCTCAAGTCTCATCCAGACTTAATACAAGCATTTCAAGCTGCTGCAGTAGCTGGCGGTGGATCTGGCAGTTCT
GGAGCTCCCATCAACAAATCCCTGAATGCTGCCATTATTGGTGAAAATCTTCTCGTGGTAGGGGTGTAGACG
AGAGAGCTGCTCGTGCTGCAGCTGAAGTTAGAAAGAAAGCTGCAGCTAGAGGCCTCTTGATACGTCAGCCTG
GTGTCCCAGTTCAAGCTATGCCTCCACTTACCCAGCTGCTCAATATCATAAATCTGGCATGACGCCGGATGCA
GTGGATAGTAGTGAAACAGATGGTGAGAAGAAAGAAGTTAACACCAACCTTTCTAACAACACCCCAGTTGAT
GGAAAACAAGAACAAGCCCCAGTCGGATTAGGCTCTGGATTAGCGTCTTTGGATGCAAAGAAACAAAAACCG
AAATCAAAAGCAGCAGTTTGATTCTGTTGAATTTTTTTGTTATGTTAGCCTGATGATAAATAATTTATTTGGGAC
AAAGGGAGGCAACTCTTAATTGGCTAATTATGACACTTCTGAGTCCATTTTAGAAAAGAGTTGAGCTTAGTT
GTAGCAATTGGCTGCTAAAAATATTTGTTTAGATGTGCCAGTGAAGTTATAGGCATCCCATTTTTTCAATCCTT
TCTCAATAATTAGAGTCGTTCAAGGGGGGATTTTGAACACATTTTATCTTTTTTGTGTTTCTGTTTCCAAG
TCAAAACTCCGAAATCAGGTTAATGTAGAACACCTGCGTTCAATTTGTACGGTATGTAACGAAATATGATCTTCA
TCGTCAATTTTCATACCCTANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_733 Novel Gene

ACAACAAATGAGTTGCGGTTCCCCATTGAGGGAACCTCAACTCAATAAATCTAATATGTAAGGCATTGAACTC
AGAGTTGGCTATAACGTGCTAAAAGATGAACAGTCTTCGCAGCTATGGATCCGACTCGAGTCGAATGAAATTA
AGAAATTTCCAAGATGAATAAGCCTTTGTTGGTGTATGGAATCTTTCGCTGCGTACTATAGTAAAAATGCCTGA
TAATAGGTGAGATATCATTATTTTAAAGTAATTGTCGTTCAAATGTGCGCAACTTGGTGGTGGTATTCTACTGC
TGTGCGTGTGGAGAGAATCCGCAGAGCAGTTTGCCGCAACTCAGAGGCCTGCATTTGAGGTAGCATACCATC
ACTGTTGAGGGACAGTCAAGTTTTTTTACTGCTCAAGTGCTAGTCTTGCAACATGATCTCTTTCATTAGACAAT
GGATAGCATCATGGCATTGTTGACCCTGATCAACGAGCGGTAAAAACTTGGTGTCTTCGGAATCATATTCAATG
CATTTACATTTGTTTGAATATTTGAAAACAACCTGCGTGCGGATTGAGACGAATATGTTGGGGTAAGGAGCAA
TGCCATTGGATTTTCATATTATTCTTTTCATGACATAGTATCAATAGCGTAAATAGGTATGTTGATATCACTTTC
TTCATATTTCCATCCTCCCCTCCAATTAACTTGGGCCAGTTTTTGATTGTTTATTTGTACAAAGCTATAATGTGT
ATGTCAATATCGATTTACGGCTGAGTGTGGTTTATATAGATACTAGGATGTATAATGTTCTAATTTTTAGATTAT
TGCGTAGTTGGTCTGATTTTGCACGATGGAATCAAATGGTGTCAAGTGTAGGAAGACGGCAACTCTCATTTAG
AAGCCTTTTTTTTTTAAATCTTTTTAGAAAAGAACAATACCAAACGATCAAACGTTGTTCTTTACACCAAGTCCT
CATATTGGCCTTCGTATGTAAAGTTTAGGGTACTTTAAATCCTCTAAGTCGGTCTACATCCTATTTTGTCTTGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTCAAACCCCCCCCCCCCCAAGG
GGGGGCCCGGCCCAATTCCCCAAAAGGGAGCCTAAATACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTAA

>trans_s_734 NM_001065957|Oryza sativa Japonica Group Os07g0300200 (Os07g0300200)
mRNA, complete cds

GAAAAAAAAAAAAATGAAAAGCATAGCCACGGTGATGAGGCTCTGGAGATTATGCGGGAAGCGTAAAAATT
GCGATTTAAGGTTGACAAGGTTGAGTATAGTGCAATAGTTCATGCATACTGCAAGGAAGGAAAGATTCAGAA
GGCAAAGAGCTTGTTAGTGAAATGTTCTCCAAGGGCTGTGATCCAGATGTTGTAACATACACCTCTGTCCTT
GATGGGTTTTGTCGCATAGGGAACTTGATCAAGCTAAAAAGATGATGCAACAGATGTACAAGCATCCCTGC
AAACCTAATGCTGTAACATATACAACACTGCTAAATGGTCTTTGCCGCAACGGGAAATCTTTAGAAGCTAGGA
AGATGATGAATATGAGTGAGGAAGAGTGGTGGACACCTAATGCCATTACTTATAGTGATGTAGTTCATGGGT
TGCGCCGTGAAGGGAAATTGAACGAAGCTTGTGATGTACTCAGGGAGATGATTGGAAGGTTTCTTTCCAA
ATCCAGTTGAAATTAATTATTGGTACATTCTTTGCCGGGATGGGAAACCATATGAAGCTAATCAGTTACTG
AAAGAGTGCATGAACAAGGTTGTGCTGTTAATGTAGTTAATTTACCACTGTCATTCATGGATTTTGTGAGAA
AGATGATTTGGAAGCTGCACTGTCATTGCTGGATGATATGTACCTTTGTAACAAGCACCTGATACCGTGACAT
ACACGACATTAATTGATGCACTGAAAAAGACTGACCGTATAGAAGAAGCCACTGAACTTACAATGAAGATGCT
GAGGCAAGGATTGGTTCCTTCTCCTGTTACATACAGGTCTGTGATCCACCACTATTGTGAAAGGGTAGAGTG
GAAGATTTGTTGAAATTAATTGAAGAAGATGCTTTTGAAAAGCAGATTTCAAACAGCATATAATTTAGTTATTGA
GAAATTATGTAAATTTGGATACCTCGAGGAGGCCAATAGCCTTTTAGGTGAGGTTTTGCGGACGGCTTCAAGA
ACCGATGCTAAACTTGTGATGTAATCATGGAGAGTTATTTAAATGTTGGAATTCCTATGTCAGCATATAAAGT
TGCTTGTAGAATGTTCAATAGAAATCTAATCCCGATTTAAAGTTATGTGAGAAGGTCAGCAAGAGGCTTGTG
TTAGAAGGAAAATTGGAGGAGGCCGACAGGCTTGCTTACGGTTTGTTGAGCGTGGTCATGTTTCGGCTCAA
GAATCA

>trans_s_735 NM_001054672|Oryza sativa Japonica Group Os02g0751800 (Os02g0751800)
mRNA, complete cds

GGTCATAGGCGTGGGTGAGAGGGAGACAGTAAACCAAACACGAATTACTCAAAAAAGAAAAGATTGCGCAT
CCTCCGTTCCGGTGTTCTCGGCCCCGGGTATGTAAACTTTGGCATCCTACGTTGTACAGAATCTGCAAACTTG
GTGCCCTCCTATTTGGATCAAATCTATTTGCCATCTCTTGCTCTTCTACTTCCACTAAATCGGACCGGCAGCTC

AACTTGAAACAGCTCTGATATTAATTCGACATGGTGAGTCAATGTGGAACGAGAAGAATTTATTTCACTGGCTC
TGTTGATGTACCTTTAACAAGGAGAGGTGTAGAGGAAGCAATTGAAGCTGGTAAGAGGATTTGCAACATACC
ACTAGACTTTGTGTATACTTCTGCGTTAATTCGCTCGCAAATGACAGCTGTGCTTGCTCTGACTCAACATCGCT
GCAAAAAGGTGCCTATAATTATGCATGATTGTAGTAAACAGGCAGAGGCATGGAGTCAAATTTACAGTGATG
AGGCTAAAAAGCAATCATTTCTGTTATTAGAGCTTGGAATTGAATGAAAGAATGTACGGTGAGCTACAGG
GATGGGATAAACAGGAGATTTCCAAAAGATACGGTAAAGAGCAAGTGCATGAATGGCGTCGGAGCTATGAT
ATTCCTCCGCCTGAGGGTGAGAGCTTGAGATGTGCTCACAAAGAGCAGTCGGATATTTTAAGGAACATGTA
AGCACTCTCAAATCTTGTGTTTATTATTTAATGATTCTCACAAAGGCAAGAAGGAATTGTAGATTGAACCACAG
CTGCAATCTGGGAAGCATGTTATGGTTGCAGCCCATGCCAATTCGCTAAGGTGTATTATCATGTATCTAGAAA
AATTGACTTCTTGCGAGGTAATTAACCTGGAAGTATCAACTGGGGTACCATTACTTTACATATACAAGGAGGG
ATCGTTTATGAAGCGAGGGAGTCCTGTAGGTCCTTCGGAAGCTGGTGTATATGCATTAAGTAAAGAGTTAGCA
CTTTACAGGCAAGAGTTGGACGAAATGTCTTGCTGAATTCCTAAAGTTCAGTGAAATAGGAAACCAGTGGAC
TCACAGGGGCTTGCTTCTTCTTCTGTTCTAAACCAAACGGTTCATACTAATTACAAATTGTTTGTGCTCGTA
TGTGGAGAAGTGATCTCTGTTTCTGTAGTGTTATTGAGGTTATCTGCAGCTGGCTCAAGCACTTCCTGAAAGG
ACT

>trans_s_736 NM_001067588|Oryza sativa Japonica Group Os08g0161900 (Os08g0161900)
mRNA, complete cds

GAGTAGATTATTACAATATATTGAAGGTGAACAGGAACGCCAATGACGATGATCTCAAAAAGGCGTATAGAA
GATTGGCTATGAAATGGCATCCTGATAAAAACCCCAACAACAAAAAGAAGCTGAAACCAAATTCAAGCAGA
TCTCCGAGGCCTATGAGGTGTTGAGTGATCCCCAGAAGAAGGCTATTTATGATCAATATGGTGAAGAAGGGT
TGAAAGACATGCCACCACCAGGCAGTGGAGGCTTCCCATTTGCCAACGGTGGTGGAGGAGGATCAAGCGGG
TTAATCCGAGGAATGCAGAGGATATATTTGCAGAATTTTTGGGAGCAGCCCTTCGGTTTTGGCTCATCAG
GACCAGGAAAGTCTATGAGGTACCAATCAGATGGAATTTTTGGGGGATTTGGTGGAAGTGAAAATATTTTAA
GAACATATAGTGAAAATGTAACACTAAAGAAACCTCCACCGGTTGAGAGCAAATTGCCCTGTACTCTTGAAGA
ACTGTATTCAGGATCAACAAGGAAAATGAAGATTTCAAGAACAGTTGTTGATGCCAACGGACGACAAGTTCCC
GAGACAGAGATATTGACCATCGATGTGAAGCCCGGTTGGAAGAAAGGGACCAAAATCACCTTCCCAGATAAA
GGAAATGAACAACCAACCAACTACCTGCAGATCTAGTATTTGTCATTGATGAGAAGCCCCATGATGTTTTCA
AAAGAGATGGTAATGATATCATTATGAGCCATAGGGTGACACTAGCAGAAGCATTGGGTGGAACAACTATAA
ATCTCACACCCTCGATGGTCGTAACCTATCAATACCCGTAATAGACATTGTTAGCCCAGGCTACGAGCTCGTG
ATTGCCAGAGAGGGAATGCCAATTGTAAGAGAGCCAGGTAACCGAGGTGATTTAAAGATCAAATTCGACGTA
AAATTCCCAACAAGATTAACGCCCCGAGCAACGAGCAGGACTCAAACGTGCTTTGGGAGGTTAATGAAGAAAA
AAGAACAATAAGATATTGGTGATCACTTAATCTGCCATATGCAAAAACCATTTGGCAATGGATTGTTGAAACA
GTAGGGCCAATAAAACCATATGCCCTCACAAATTTAGATTCCCACTCTTGTAACCTACCCACAAATTGTTCTTTC
ATTTGTAAACTGTAACTTCTGTTCTTCCCAGTTAGTTTTGTATTTACTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_737 XM_002893701|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata galactosyltransferase family
protein, mRNA

ATTCAAACATACACACCCATAAACGAATTTCTAATCACATTCTTCTACCATTTGATTCTGCCATAACCTCTGA
ACAGAGCACAACTCCGAGGCAAAATCCATTTTTCAATTCCCTATGTTTTGAAGGCAATCACTATCTCTTTC
TCTTTTGGAGATGCTAATCCTCTTGCTTCTTCTTGATGGGTTCAATTGGATTCTTCTGTTTGATGCTTTTAATCT
CAAGATAATAAGACTGGAGGCGTTTTGTTGAGCTTGGAAGCTTCTGGGCTCTAATGGGTCTCACCAGACCTC
ATAAGCCCACTAATGGCTTCTCTCCAGATGGGTTTTCTGTTTTGCATTGCTAGTTTCTTCTCGGTATTTTTGT

TGTCGACAGGTTTTGGGCCGTGCCTGATCCAGTTCAAACAGATGAGGATGCATCTTTAGATAAAGTCCAATCA
AAAACCTTCTACCCCATTTGTTAATTGTGAGAAGAAGGAAGGTTCTTTTCAGGCTGATATTCTTTCTCAAGTATC
ACAAACCCACGATGTTATCATGACATTAGACAAAACAATCTCATCATTTGGAGGTGCAGCTAGCTGCAGCTAGA
GCCTCTAAAGCGGATAACGATGAAGGATCTCTATGGTTACAGAACCCGGAGCCAAGATTTTGAAGGAGCGA
CCAAAGGTTTTCTTTGTTATGGGAATCATTACGGCTTTCAGCAGTAGAAAGCGAAGAGACTCCATTAGAGAAA
CATGGATGCCTCAAGGTGAAGAACTAAGGAAGCTGGAGGTGGAGAAGGGAATTATAATACGCTTTGTCATTG
GACATAGTGAACCCCGGGGGGGTGGTGGATCGTGCTGTTGATGCAGAGGAGGCACAACATAAGGATTTT
CTAAGACTGAACCACGTAGAAGGATATCATGAATTATCTCAAAAACCCAAATATACTTCTCAACAGCAGTTGC
TAAGTGGGATGCAGATTTCTTTATCAAAGTAGATGATGATGTTACATAAATCTTGGTATGGTAGGCTCTACAT
TGGCCCGTCATAGATCAAAACCACGCGTTTATATTGGTTGCATGAAGTCGGGCCAGTTCTTGCTCAATCATGG
GTAAAGTACCATGAACCTGAATACTGAAAATTTGGTGAGGAAGGCAACAAGTATTTTAGACATGCAACTGGG
CAAATTTATGCCATTTGCAAAGATTTGGCTACCTACATTTAGTTAATAGGCCTATACTACATAAA

>trans_s_738 NM_110982|Arabidopsis thaliana structural constituent of ribosome (AT3G01170)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTCCCTCTTTTAAGAGATGTATGTGGCTTTAAACCTCCAAATCACGCTCTCTCCACTCTTTGCTTC
TTTATTATCTGTCTCCACTTCTTTGGCTTTAACCCTCTTGCCGATTTCTTCTAACCCCATTTACCTCTGTTTTTTTG
GGTTCAATTTCCATTTGATTCCATTGAGGTGTTGGATTGATTTGGACGCCGACAAAATTCTGGGTTTTCTTTTT
CATCTTCAATTAACAATACCTTTTTCTGATTTTCGATTTTTCGATCTGATTTGGGTTCTGAATTGCTGGATGTGA
TTGATTGAATCGGCGAAGTTTCAATCGTGGTTTTTTTTTTTTCATTGGAATTTGATTTGAGATGGTCTATTTCCCA
TACTCGATCTCGGTCTGCAAGTCCGTTGACCAACCAACCGTTATGGCGAGTTTCGGTGAATTTAGCCGATTCAA
GTTCCAAATCAAGAAACAAAAGGATGCCTGCTTCATCGACTTGTTGAAATTCCTGTTTGTATCGGTCTCGA
TCGGCCGTTATCGATATTGTGATTTTGATTGCTGTGGTTGGTGCTGTGGGTTTTTGTATTTCCTTATATGAAG
CTTGTGATCGTTGAATCCCTTGAGATTTTTGGGGCGATTCTGTATTTAATGGGAGAAGAAGTCTCTCGTGCTCC
TTGGATTTATGGATCCATTGGACTTAGTATTTTCTGTGCATCATTAGCTGCTTGGGTTGTTTTGATTTGTACAAG
CAGGAAATGTGGAAATCCTTATTGCAAAGGACTTCGAAAGGCGGCTGAATTTGATATACAATTGGAGACAGA
GGAGTGTGTGAAGAACTCCACTCCATTGGTTAAAAATGGAGTGAAGAAAGGGCTTTTTGAATTGCCCCGTGAT
CATCACCGTGAATTAGAAGCTGAACCTAAGAAGATGGCACCTCCTAATGGAAGAGCAGTGCTCATTTTTAGAG
CAAGATGTGGCTGTTCTGTTGGTAGGTTGGAAGTCCCTGGGCCTAGGAAGCAGCTGAAGAAGATCAAGAAAT
AGTAGTATCTACTAATAATATTGTTTAAAAAGCATATAGATAGGATATCATTACAGGTTTACTCAGTATGCGGA
GAAAAAATTTCTTACTCGTGGGAAATTTGATGTCTCTAAATAAGCTCATGGCAGACAGGTGTAAGGAACATAT
ACAGTTTTTAAGTAGGGAATATACAATCCTTTGTGCATCAACTCGATGTGTTCTC

>trans_s_739 NM_001051156|Oryza sativa Japonica Group Os01g0817000 (Os01g0817000)
mRNA, complete cds

TGAATTTCTGTTGTTTCATTGCTCATTCACATTCAAAACCTCTAAATTTATTATTACCCCTTCCCCAAAATTTTCATT
TTCAACCTCAATTTTTCTGTCTTTTCTTGTTAAAGATACAAGGATATCTACAAAACCTTTCTGCTGGAGTTTCC
TTCAATCCATCGCCGCCTCTACGGTCCTCCAGTTGGTTTGGTACCGGAGTTGCTTTGTTTTCGTCGTCTGTGGAT
TCAGGTAATTTTACTGGAGTTTCGTCGCGATGTGGATAAAAGTGAGAGTGGTGGTGGCCCTGGTATCGGGTCT
GTGAAGGAAGAATCTGGTAATGGAATTGGGGAAGAGGAGATTTCTTTGGGGAAGCGAAAAGGTTGATGAG
ATTGGTTAATGTTGAGGCGTTGAAGATGAAATTGGGGACCGATGGGAAGGAGGCGATTGGATATTTGGAGC
TTCTAGAAGCTTGTAAGCATGGGTGTTGCTAGGTCTGAGGATGAAGCTGCTACTTTTGCTCGAGTTCTTGA
TGAAGCTGGTGTGGTTCTTCTCTTTTCGCGATAAGGTCTATCTTCATCCTGACAAGGTGGTGGATCTTGTGAGC
GAGCCATTCCCATTTGCTTTGATGCCGGAAGACGATCCAACGAGGAGCGAGCTAAAGCAGCTGCAAGAAAAGA

AGGAAGAAATCGACGTATTAGCACATAAGCAGGTGCGCCGAATACTATGGACTGGGCTAGGCTTAGCTGTTT
TACAAGTTGGACTCTTCTTCAGGCTAACATTCTGGGAATTTTCATGGGATGTAATGGAACCAATAGCATTTTTC
ACCACAACAACCGGATTAGTTATAGGCTATGCCTACTTCTGTTCACTTCAAGAGATCCCACTTACCAAGATCT
ATTGAAGAGGCTTTTCTCTCAAGGCAAAGGAAGCTATTCAAGAAACATTCTTTTGATGTTTGCAGATTCAAGG
AGTTGCAGAAAAAATGTAAGTCGCCTCTCGATGCTACGGCAAATATTAATAATCGGGTGGGCGTAGATCTCG
AGCTTGAGGATTGTTGAGTAGAGATTAATACTACTACTATCATATACCCTTCTTTATTAGAACAGGCAAG
GGGTAACTATTATTAACATCCCTAATCTTTTAATTTCTTTCTTTATNATGGGGGCTGTCATCCAATTTTGGAGTT
TAGAGGTATAAACTAGTAAAGAATATGGCCATTGTTCAAACAAATATGAAATGGATTACACTGAA

>trans_s_740 NM_001051336|Oryza sativa Japonica Group Os01g0847900 (Os01g0847900)
mRNA, complete cds

CTCCAATTTCTCCCTTCTTTTTATTGCACAGTCCAACTATAATTGTCTTCTCAATTGCTTCAACAATTTTCTTT
CTTAGCATCGAGCACTTGCTTTCCTTTTAGGGTTTACGACGCCCTCAATAGCAGCTCAGAATCAGATCGTTTCA
CCAATTCCTAATTCGAGATAGCCACCTATGGATTGGGGAAACGTTACTGCCGAGGATCTCGTCGATGCGCTT
CGAGAAGTCGATTGGTCATCGCCTCCTCGCCCTATCTCCGAGTTCTTCTCCAGGTTACCCATCCCCGATCTTCC
GCCAAGTGGAACAGCCGTCTCAAGTGCAATCTCTATTATTACCGAACCAACTATTTTATTATGATCGTTTTCATT
CTTGCCCTGGGTTTTCTACGAAGGCCACTTGCTATTGTTGCTGCTTTTCTCACAGCACTCAGCATCGCTTTTCTA
AACGACAGTTTTGCAGGCACATTCAAGTAAAAAGTAACCAGAACTGTTAGACAATTCTCTCCACACATGGCTG
CAAAGATGAGACCTCCTCTTACGCCTGTTATCCGTGGACGTCCATCAGCTAAAAGAGCAATATACATATGCGG
ACGTCCTCGATGGGTTTTTGTCTTGGTGTTCTCTTCTGTGAGTTTCTACTCTGGTTCATTTCTGTGGCCTCTTG
ACTGTACTTTGGTCACTTTCATTTGGACTTCTCGCAACGTTGCTTCATGCAAGCTTCAGAACACCTAATTTGAAA
GCACGTCTAAACACATTCCGTGAGGAATTCCGTGCTGTTTGGCGCAATTATAGTGAAGTGTAGTTACCTGGACT
TTGTAGAATGCGTCCTTTGTTAATTATGGTGTTTACTGTAATCTGTGCTTACCTGATTGCTACGCTGCTGT
CTCTAAGAACAATTTGCTGGGATGGAAAGTCTGGAGTGACGACTGCCAAAATATGCCAGATTTTGCAAATTTT
GTAAATTTTGGCTCATGTTTCTGGGGATGTAATTGTTTCATTTGTCATCTGTATTGTGAAAAGACTAGGAATTA
GATACAGTGGAAGATTTTTCAGAGAAGCAGAGTGAATATTCTTAGAAAAGAAAACAAAAATGGCCCATTAGTT
ATGAATTTTATTACTTATTTCTTCACTAAAAAGTAAAAGAACGGTTCATTTTCATGAGCGAATTATGGTTGAATA
ACTATAACATGTGTACCTTTACATGCCTCCCATTTCCAAAAA

>trans_s_741 NM_001052585|Oryza sativa Japonica Group Os02g0174800 (Os02g0174800)
mRNA, complete cds

TCCTAAACCCATAGCCCTTCAGAAGAGAACAGAGAGGCCTTAACTTCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
GAAGCTTTTTTTGGTTTCTCCAACCTTCTTTCAAGTTTTAATTTAGTGGGTTTCAAGAACTCTTTGTTTGGCTG
CTTCTTTCGTAATCATCGGAGATCTTATTTCCAGAGGATTTTCCGGGGCTTTCTCTCTCTTACTCACAATCTGTGC
GCTAATTCCTCAATTTACTCCATTCTGAATGTCAATTACACTTCACAAGAGTTATTTCTTCTCTTCCATAGTTTGT
TTTTTTGTTTGATGTTGTATCCTCTGCAATCCATCCGATTCTAGTGAGGATTGTGAAAAACAAAAAAGGAC
AGGAATTCATCAAGTTTCGTCTAAAAAATGGAGAATTTTCATCGGAAAAAGAAAACCCACCATCGGTATTTTC
ACTCTTCACCGCTTTGTCTGGTTCGTTCTTCTGATAAAACGAAATCCCCTCGTGATTTGAAAAGGGTGTTGT
TGGATTGGGTATAGTAGCTGCCATGACTGATTCTGACAAAATTCATGAAGCTTTTGTATCTTGAAGGCGGTTT
CTCCAGGTCTTGCTCGATTCTATTGTTTCTTCTGCTAAACCAGCGGCTAATTTTCAGAGGTGGGTTAACCTAG
AAAAGGAACTCTACCTGAGGTCGTTGATGAATTTCTGAAAGTTACACTTGCGTAACTTCACATTTTGGCAAT
CGTTTGTTGAAAAGCGTGTTTACTTTAATGGTGAGCTCGATTTGGTCAATGGACGTTCTTCCAATGTAGTGAG
ATCTGGGGTTTTTCCACTTCCCAATGAGTTTTGGTGAGCGGAGAGAGGGTTTTGTGCTGCTGAGTTTTTGA
GCTCTTGCTATCTCTGCAGCAAGCATCTTCATGGACTTGACATCTTCATGTACAGAGGGGAAAAGGCATTTTGC

>trans_s_742 X64349|N.tabacum mRNA for 33 kDa polypeptide of water-oxidizing complex of photosystem II

>trans_s_743 EU256477|Glycine max short vegetative phase-like protein (SVPL) mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_744 HM122454|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH16)
mRNA, complete cds

AAATCCCTAATCTTCTCAATTCTTGTCGTCCTCTAAAATTCACCTTCTTCCATTTTCTCCCTCCTCAGTCGTTCTGA
GCCCTAACCTAACTCCACTATTCTAAATTTCTTCAATTTTCATTCCCATCATTTTCCAATTGTTCTGGTCGGT
AAATAATCCGACAATCTCGCGTCTTTTTTCTATAATTATTTGAGAAATGTTTCCCCGAAAATCCAATTGG
TTGTTTCGATTATGGTTTGATCGAAGACATCCCTGTACCCGATGGGAATTTCCCGGTACAGAGCTCAAGCTTCTC
TTGGGCTATTAGACCTTTAACGGCGCCCATGATACCGGTGTGGAAATTGATGGATCGTTGGCAGATCTGGAT
GGCGTCTAGAATCAGGCTCAAAGAAGCGGGTCAGATCTGATTCATGTAGTGCATCAAGCTCCAAAGCATGT
AGGGAGAAATTGCGGAGGGATAGGCTCAATGACAAATTTCTGGAAGTGGGCTCCATTTTGGATCTGGAAGA
CCACCCAAAAGTACAAGGCTGCAATTTTAGTTGATGCAGTTCGAATGGTGAATCAGCTGCGTAGTGAAACAC
AGAACTAAAGGAGTCGAATCAAGTCTCCAGGAGAAGATCAAAGAGTTGAAGGCTGAGAAGAACGAAGT
CGCGATGAGAAGCAGAGGCTCAAGGCAGATAAGGAGAGGCTAGAGCAGCAAGTAAAGTCCATGCCTGCTCA
ACAACCTGGCTTCTTACCTCCACCAATACCCACATTTCTGCTCAGGGTCAAGCTCCTGGCAATAAGTTATTTCC
TTTCATTGGTTACCACCAAGTGTGCTATGTGGCAATTCATGCCACCTGCTGCGGTGGACACGTACAGGATC
ACGTACTCCGGCCACCTGTTGCCTAACTTGGTGGCAACCAAGGTTGCCAAAAGGAAACCATTGGCAGCCCCCG
ATTGCTTGGCCCCTGGACCTTCATTTTACTCTGCCATTGTCACTAATATATATTAGTATTTTAGTTAGTAGGC
TCGCCTGTCAATTGATTTTGAGGGCTGCCTATGTTATTTGTCATTGGATACTTGAAAGAACTCTACCTGTTTTTC
TTAAGTTTTGTAATTGTAAATGTGAATAAGTGAGTGATTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_745 DQ442994|Glycine max phosphomannomutase mRNA, complete cds

AACCTCAACTGCGCTCTCCCATCATTCATATCTCTCCCTTTCTCACAACTCGCCCAACGCCAGCTCTCCCGTCCC
CCATTCGCCCCGCGCAGCCCCCACCCTCGCCGCTCGTTTCTTCTCTTCTGTTTGCTTCTCCGGACACCGC
ACTGTAGCCACACTACAGCCTCCGTACCCCGTCGTCGCTGCCAGTCCAACCCACAGCCGTGCGCCGATTGT
GGTTATTGAAATCTTTGTGTGAAGTTTAGCAGTGAGTTTGGATCAAGCCACACTTTGGGAGATATATCGAGTG
TGATGGCTGTGAGGAGACCTGGAATCATTGCCTTATTCGATGTCGATGGGACTTTAACAGCTCCTAGAAAGGT
TGCTACTCCAGAGTTGTTGAAATTTATGGGCGAGCTCCGAAAGGTTGTTACAGTTGGTGTGTTGGGAGGATCT
GACCTTTCTAAGATATCAGAGCAGCTTGGGAAGTCAAGTATTTATGACTACGATTATGTATTCTCTGAGAATGG
ACTCGTGGCACATAAAGATGGGAAGCTCCTTGGGACCCAGAGCTTGAAATTACATCTGGGAGAAGAAAATCT
TAAGAGTATTATCAACTTTACGCTTCATTATATTGCTGACTTGGATATTCCTATAAAAAGGGGAACATTTATTGA
GTTTCGAAATGGGATGCTTAACGTTTCACCTATTGGGAGAACTGCAGCCAAGAAGAAAGAGATGAATTTGA
AAAGTACGATAAGGTCCATAATATACGCCCCAAATGGTTTCTATCTCCGGGAAAAATTTGCTCATCTTAATT
TAACATTCTCATTGGAGGGCAAATAAGCTTTGATGTCTTTCCTCAAGGTTGGGACAAGACATATTGCTTGAG
GTACCTTGAAGATTTCCAAGAAATCCACTTCTTTGGCGATAAACTTACAAGGGAGGAAATGATCATGAAATT
TATGAATCGGAACGAAGTGTGCGTCACAAAGTTATCAGCCCTGACGATACTGTGGAGCAGTGTGAGGCCATAT
TCTTTTAACAATATCCAATATCCAATATCCAATATCCAATATCCTATCCGTTTGAATACTCCACGTTGTGATTTT
TCGGACGTTAATTGATTAAGAACAACCTTTTACGCCGTTGAGAAAAAGAAAGGAAAAAACAACCTTTTGGTT
TTATTATAATTAAGAATGGTAAAGGTGTTGGATAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_746 HQ260923|Litchi chinensis 14-3-3 protein mRNA, complete cds

AATTGGGTGACTGGGACATGTGACAAGTATCGAGAGAATTAATAGTTTATTACATTGAAGATGTCGCCTGCTG
ATTCTTCACGGGAGGAAAATGTTTACATGGCCAAGTTGGCCGAACAGGCCGAACGATATGAGGAAATGGTAG
AGTTCATGGAGAAAGTTGCCAAGACTGTGGATGTCGAGGAGCTTACTGTTGAGGAGAGGAATCTCCTCTCCG
TTGCTTACAAGAATGTCATTGGGGCTCGGAGGGCTTCATGGAGGATTATTTCTTCCATTGAGCAGAAGGAAGA

GAGTCGGGGAAATGAGGACCATGTTTCAATTATCAAGGATTACCGTGGCAAAATCGAGACTGAACTGAGCAA
GATCTGTGATGGAATTTTGAGCCTCCTTGAGTCTCATCTCATTCCATCAGCCTCATCTGCTGAGTCAAAGGTGT
TTTATCTCAAAATGAAAGGTGATTACCACAGGTACCTGGCTGAGTTTAAGACTGGAGCTGAAAGGAAAGAAG
CAGCTGAGAGCACATTGTTAGCCTACAAGTCTGCTCAGGATATTGCTCTTGCGGAATTAGCCCCTACTCATCCA
ATTAGGCTAGGTCTTGCTCTTAACCTCTCAGTGTTTTATTATGAGATCCTTAATTGCCAGATCGAGCTTGCAAT
TTGGCAAAGCAGGCTTTTGACGAAGCAATTTCTGAGCTTGACACATTGGGTGAAGAATCATACAAGGATAGC
ACCTTGATCATGCAACTCCTCCGAGACAACCTGACTCTTTGGACTTCTGATATCGGGGATGAAGCTGGCGATG
AGATTAAGGAAGCATCAAAACGTGAATCAGGGGAGGGACATGGACAGTAGTTTGACAGTTGTTGAGTTGATAC
TTGATAGGAGTTGTACTGTGTACTTTTTCTCTTTTTCTCCCTTTTCTTTTTTTTCCCTGTTCTTTAAAAAAA
AATGTGGCGACCCTGTCTTTAGTGTTGTTAGTGCTACTTGGGTTTGGTAGTTCTGAATGAAATGTCTTGTTGC
TGGCTTTGGCTTCTGAGAGTATGACCTCACTGAACGGGAGACTGTTCTAGAACAGGCTGTACCCTTGTGTCTT
TGAGTGCTAAAGATCTAGAAGCATTGTTAGGGCCTCTGGATACTCCACAAGAGTATAATGTGTTTTATTATGA
GAAGAATCTGGTGTTTGATGTTTGAGTGCTATGAGATATGATTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_747 NM_001065029 | *Oryza sativa* Japonica Group Os06g0702800 (Os06g0702800)
mRNA, complete cds

CGACTATGGATGCCGGAGAAGCAATTTGAAAGAGATCGAACTCGCTGAGAGCTATCTCGTGTGCGCCATGT
TCGAGGAAGCAGTAGCCCTATCTTCCTCTGTTTTAAAGCGTATTTCTCAACTGGAAAATGGTATTGAAAAAAT
GAAATGATGGAATCGGCTGGTATGGTTTTAATCAATCTTTGAAGGAACTTGAAGGACATCACAGATACTGA
ATGAGCTCAGAGTATCATTTTCTCCGTTGCAGCCATCCCTTTTACTGTTCTTTTATTTGGGGCGTGTTTTCATTT
TTCGGAAGGTCTTTCTGATATGCAATCTTTACTAGAAGAGTTCCTTGGCAAGTGGAATTTATTGAATGAGGAA
GTATATGTTTTTGTGGCTCAAGAAGTATTGATGACAGAGAATGTCATGCTCAGTTGACTGTTGATGAATATCT
CCAATTGTTACGTTTACCTCCGGATTGTCACAGAGATAGGTTTGAAGGATGTGGATCTTGCTGTTTCTTGGG
TTGAGAAAGCTGCTTTCCTGAGGGAAAGCGTCAGATACTTTGAGGAGGCCAGACTACCTGCAGTCTAAGA
AACCGGCCAGTTCGTCACAATCGTCCTCTTCATCTTTGCTTAGAAATGACCATAGAAAACATTTATCTTCTCAG
AAGGACTTCAAGTATCAAGAGCTTCAGAAACAGCCTTAGACCTGGATATCATCAAGATGGAGGAAGTGCTA
ACAGAGAAACAGTTCTAAGACTACATAAACTTACAAAACCATCTTTTTGGCCTTTCCGTACCATAACATTGAAG
TTTGAAAGTTTTCTGCTCGTATCCACCAGAAAGATTGTGCTTAGCTGTTTTCTAGTTCCAATTTATTATCTG
CTGCGAAGGAACTAACCGCTGTGAAGAGGATGGCTCAGAAACAAGGTTCTGTCATGAAGAAGGCACTGGT
AGACTTGTGGCAGCTTGCAATTTTCATATCAAGTAAACCCCTTAGCTATTGCTCAACCCCTTTCTGGAGCAGCTC
GTGGAGTCTCATGATTCTTTAAAATCGTATTTGTTTTCTGTCATTTTCATATTAAGCAGCATTTACAAGCATT
TTCTTTTAATGGGAATTATGTTCTCTTGGCTTCATTGTGCTGCACAACCTGATATACTTTATATCTATATAAAAT
TATATACTAAATTTACCTTTATGAACTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_748 AY143851 | *Arabidopsis thaliana* At5g64200/MSJ1_4 mRNA, complete cds

AAGGAGTTTTCTTCTCCATCTATCTTCTCTAACCCTAACCCTAATCTTCTTCTCTTCTTGCACCAACATGTCTCA
CTTTGGAAGGTCTGGTCCCTCCAGATATTACAGATACCTATTCGCTTCTCGTGCTCAACATCACCTTCCGTACCAC
TGCGGATGACCTCTACCCGCTTTTCCATAAGTATGGGAAGGTTGTTGATATCTTCATCCCAGAGATCGAAGG
ACTGGTGATTCCAGAGGCTTTGCATTTGTGCGTTACAAATATGCAGATGAAGCCAGAAAGCAGTGGAGAGG
CTAGATGGCACTATGGTTGATGGACGAGAGATAACTGTTCAAGTTTGCAAATATGGTCCAAATGCAGAAAGG
ATTACAAAGGGAAGATCAGCGAAGCATTCCCAAGTCAAGATACAGGTCTAGAAGTCGAAGTCCAAGGAGA
CGATATCGGGATGATTACAGAGACAGGGATTATAGGAGGAGAAGTAGAAGCAGAAGCAGAAGCCGAAGCTT
GGACAGGAGTGATCGTGATAGGCGTGGTAGAGAAAGGGAGAGGGGAAAGAGACCATCGCAGACGAAGCCGG
AGCATTAGTCCTAGGCGACCTAGTCCTGATTACTCCAAGGGAAGGGGAAGAGGACGCTATGATGATGAGCGA

AGAAGTCGTAGTGTGTCAGCCGTAGCCGAAGTCGTGGCCGTAGTCGTTCTGTGGACAGTGGTTCTCCTGGTAGA
CGAAGCCCTAGTCCAAGAAGGAGTCCATCTCCTCGAAGGAGCCTCTCCTCGTAGGAGTCCATCTCCAGGG
ATGAAAGTCCTGAAAGAAATGGTAATGGTGGTGGAAAGGTCTCCAACCTTAGGAGTGTTCACAAAGAGGGC
GACCTGCCGACTCACGAAGTCCATCCCCACAAAATTCAGATGATAAGTGAATACGGATGGGAGGAGAACTAT
GGACATAACCGAACAGGCAGGAATGAATGCTTTGAGGACTTGTTGATTAATAATGTTATCAGACTATAAATTC
TAGTTTTGGTAGGACTTTCTATGGTGTTCATTCTCATATATTTAGCTTCATGTTCTATCTACTATCTTGTATC
AGTTTGATACTTTTTACCTCTGCAGTCTGTATCCTATTTCCAGTCATAGGTTATAGCTTCGGGACATGTTCTTCC
TTTATATTTCTGCTTCTCTACTCTGTAGTACCAGTACTATGTTTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_749 AY039525|Arabidopsis thaliana AT3g57280/F2809_130 mRNA, complete cds

ATAGTTCCATCTTACATCCATCTTCTGAATTTTCGCTCGATTTTCTTGCTCATACTTCATACCCTTTTCTTCTTA
TCCTTATCCGATCTAACATGGCGGCGACAGCGTCTCAATTTTCGTGTTTGTGCGCCATCAACCGTGGCTTCGC
CTGCAACACCGCCGACCATTTAGCTTCTCGTCCTTCTCTTCCCTAAGTTTTCGATTGTTATGAGCGTTG
AAGGATCTGGTTCGAATGCAGCTGATTCAGACTAAAAACAATTTAAGCTATGCCACTGATGCATCAGAATC
TCAAGTTGCCACAACTCATATCCGGATGTTGAAAAGTCGCCCCGATGTTGAAATTTAGAGAATGAGAAGCTG
CAGGAGCCTGGTGGTGGTGGTGTGTCGCAAAACGAACAGCAAAAATTCACGATTTCTGTTTTGGCATTCTT
TTGGTGGAATTGTTCTAAGTGGTGGCCTTATTAGCTTCATTTTCTCAAGAAACCCGTCTGCATTACAGAGTTTG
GTGTCTGGAGGTGCTTTGCTGGCCTTGAGCACCTTAAGTTTGAAAATCTGGAGCCAGGGGAAGTCCAGTTTTC
CATTATTCTAGGACAAGCAGTATTTACGGCCTCGTTTTCTGGAATAGTTATCAGACGTACTTATTGACCAAA
AACGTGTTTCCAACAGCCATTTATGCTGCCCTCAGTGCTGCAATGCTATGCTTCTACTTATATGTCGTAATTTCT
GGAGGAAACCCACCGCCGAAAAAATTGAAGTCTTCTCCATCTGCTGCTTAATGAAATTCAAATCCTATACATAG
TTTGATTACACTTGGAATAAATTTACTTTTTGATGTAGCGCTGAGTTAAGTTAGGAGGGAAAAGAAGGCCT
CGTTTTCATTTGTTGGGAATGGTAAAATACTAAATGAAGCTTAGGAGGTGGGAAAAATGCACTTGAATAGTTA
TAATCTGTGAGGAGCTAGGCGGTAGAATTCATGAAGAGGGAGTGTGTTACTTGAAGGCAACGAGAGCTTGG
ATTTTGCTTTTGAACATAATGGTTATGAGGTTTGATTTATAGAAATAACTTGTTAGTAGTTGAGTGTTCGTT
GGGGTAAACGACCCTTTGATAAATAGTTGAAGATAGTTATTATTGCTATTAGATGAGGGGATTATTACTGGAA
GACTTCTGTAATAATTTAGATGGTTATATAATATATGGTGAATCTTTGAAGGTACAA

>trans_s_750 AC069558|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T5G13 From
Chromosome IV, complete sequence

TGTCTTCAGTTTCCAATCCAAACCTATTTTTTCTCATGGAGAAGAAGACACAGAGCTGTAGAAGAAGCCAAT
CCAATAGCTCGGCTCGCGCAAAGGTATTCGGGACCAACTCTTTCAGCTAAGTGAGGACGATGCCACGCGATT
AGTCGGTGGAATAGTTGAAAAAGGTGTCTCCGACTCCGAGCAAAGCACACCCTTTTTCTACCCGCTCCCAGA
CCTTCCGTTTTGCCGTTCCCGGTGCTCGGCATCGGTCTCACGGTCCGCATTGGGAATCAGTAACTAGTAAAAA
GGGTGGGGATAATATCAAAGCTGACAGGGGGGAGGATGGGGAAGAAGATGAAACAATGATGGTGGCTGAC
TCTATAGCAAATTTGCGAATCCAATACAGAGGAAAAAGAAAAGTGCTTAGCAGACGCTGAAGGGTATCTAC
AACCAATTGAGGATAACGAAGCCATTTTGAAGCTTATGTGAAATCATGGGTTTCAGGTGCCCTTGACAGATC
TGCAAGTCGAGGTTCACTAGCTTACTTACTATCTCTGCACCACCTCTCATCCTACATATTCCATTCTTACCCAGTC
AACAACCTGTTGCTTCGGAACAAGCTCTCAAGGTCTCTTTTGCAGACTGCTCCAAAAGCATCACCGCAAGG
AAATGATGACGAATCTTATCTTATATACCAACCATCAACCCATCTTATTGCTGGACAAAAGGGTGTGGCACA
TCAATTGGTATGAGCGATGTAGAAAAAGGCTTGAAGTGTGAAGGAAGCTTGCGAAAAGAATTCCTCTCTTT
TGACAGTAGTTGAAGAGCTCGGTTCTTCTGCAAAAAGTGAAGTGCCTGCAATGTGTAATATATAGAGAAGTGA
AGAGATTGTGATTAAGAAGTGAAGAGATTGTGATGGAAAATCTAGGCAATGGAGGATTGTACGGGATGATA
TATCCCCATCTATCCCTTCTCAAACCTCAACTACAGGCAGCATACAATTTGATCCTTTTCATGGGGGAAGTTATGAG

GTTTGTACATGAATTTTGTGCTGTTTAACTGAAATGGTACAAAAGAAATATCATATCTTTTAACCATGGCCAA
CAAGTGCCTTAACTTTTTTACTAAAACAGTTTTTCATCACTTCATTTTCGTTATTGACGTGCAAGTTTATTTGATTAA
GAATTTGCAACACAATGAAAGGAATATTAGTGATCTGGGATTGAGTTGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_751 HM122453|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH15)
mRNA, complete cds

ATTCATCCCAATGGTGTTTCTCCTCTTTGTTTTCTTATTGTTTTCTTCATTTTCTCACTTGGGTCTGTTTGTTTTTC
TCAATTTTCCATCCAATATGCCTCTTGCTGACTTCTCACTTTGAAAATGTTGGAAATTTCAATTTTTTTGTAAC
GCAAATGCCCTTTTCTTTATCTTGAGTGTGGAGTAGCAATTACCACTCATATGATGATCTAACGTGTGCTTTGT
ATAATTTCTGCGTCGTTTGAAATGAAAAAAGGATTTTTTTGTTACGTCTTAAGTTTACATCGTTTTTGCTTT
GTTTTGATTATTAAGATATAGTGGTGGGGGTTATGGTAATTGCAGAATTCTGGCATTTCATTTGGTTTCACTTG
CTGTTGAAGATCATGGTTTCTGAGGCTCCTTCGAAACCGTTGTTGAAACTGATGCTTCGGTATCTAGGAATTG
TCCTCCTGGTAAAAAGAATCAGGTGAAAGTTCCAAAGAAAATTCACAAGGCGGAGAGGGAGAAAGTTGAAGC
GAGAGCATTTAAACGATCTCTTCTTGACCTTGCAAATGCACCTGCTATTCTCATACTTGGAAATGGTCATCTGCA
GAGCTGACAGAACCGAATAACGGGAAGGCATCTATATTGTCTGAAGCAAGTCGGCTGCTAAAAGACTTGTTT
GGTCAGATTGAGTGCCTTAGAAAGGAGCATGCATCGTTGTTGTCAGAATCCCGATATGTTGACATTGAGAAGA
ATGAGCTGCAAGAAGAGACTTCTGCTTTAGCATCTCAGATCGAGAAATTACAAAGTGAGTTACAATCAAGGGC
TGACATTCTAAACCCGACTTAAATATCACCCACCTTCAGAGTTTCCACAACAAGGGACGACAGTACAACATT
TCTCGGGGGAATGCCTTGGATTGCCTGTTATGGAACCTTCATTGCAGCAAACGCATGCCGTTTTATCGTTCCC
GTTTCGGCCAGATCTCCCATCTTATCCAGGAACGGATGCAACTCATGCCCAATAATGCCTACTTCCCATGTAAG
CAAACCACATGCCAGATATCCAACACCAGCAGATTCTTGGCCTGCTGGACTTCTCAAATTGTCACAAACAACAG
AAGCAAATAAAGAAGTTTTAGCCATTGGTTGCAAGAACATTGCAGATATGGGAGAACGAAGTTATGATAGAA
GTGAGAGCTGATTGATGTAGTGACCTCTTTGTCTTTATTAAACAGATGCC

>trans_s_752 XM_002306239|Populus trichocarpa histone deacetylase (SRT901), mRNA

AGATCCTGTTTTTGTCTATTGAAAATTCATTCTGAACGATCCCCATGTTTCATCAGCTTTCGGTTCATCGACCCT
TCAGCTCTTCCTCAACCACAAGGAATTTACTTGGAACATCATGGGAGATATTGTTTCAGTATAGAGGGCAAAG
TTGTCGATTGCTCAGAAAGGGATATTGTTGATATCTCTTTTTGCTCCTCAAGGAATATCGAAACGTCACATAA
AATTTCTGTTAGTTCCTCATTGATCAGTGAAGAAAAGCCTCGCCAAAACCTTACGAGGGACAAGAAGCTAGTT
CCTGATTTCGATCCCCCTAGCATGAAGGATGTTGATCTTTTATATAACTTTCTTGATCGAAGTTCCAAGCTTG
GTATTGACAGGAGCTGGAATAAGTACGGAATGTGGAATTCCTGATTATAGAAGTCCAAATGGAGCTTATAGTT
CTGGTTTCAAACCAATTACACATCAGGAGTTTGTTCGTTCAATACGGAGTCGTCGTCGGTATTGGGCAAGGAG
TTATGCAGGGTGGAGACGTTTTACAGATGCACAGCCTGGCCCTGCACATTTATCTCTGGCATCTCTTGAAAAA
GTTGGCCGAATTAATTTAATGGTCACTCAAACGTTGATAGGTTGCACCACCGTGCTGGTAGTGATCCACTTG
AATTACATGGAACAGTGATTCTGTAATTTGTTTAGAGTGCGGCTTTTCCATTTGTAGGAATTCATTTCAGGAC
CAAGTGAAAGCTCTCAACCCAAAGTGGGCAGAAGCAATCGAAAGTTTGGATGATGGAGTCCCAGGATCGGAT
AAGAGCTTTGGCATGAAGCAAAGGCCAGATGGTGATATTGAAATCGATGAAAAATATTGGGAGCATGATTTT
TGTATTCCAACCTGCCAAAAGTGCAACGGAGTGCTCAAACCTGATGTCGTATTCTTTGGTGATAATGTACCAA
GGATAGAGCTAATAAGGCGATGGAAGCTGCTAAAAATTGTGATGCTTTCCTCGTATTGGGGTCATCTGTGATG
ACCATGTCTGCTTATCGTCTAGTGAGAGCGGCTCATGAGGCAGGTGCTGCTACTGGAATTGTAAATGTAGGTG
TGACAAGAGCCGATGACTTTGTATCAATGAAATCAATGCTANGTTGGGTGAGATAATGCCAGAGTGCTCCA
TATAGGTTCCCTCAGCATCCCTTCACTCCAATAACAATAACTTCACTTCAGGTCTCTGTTTCA

>trans_s_753 L31900|Cucumis sativus glyoxysomal malate dehydrogenase (mdhG) mRNA,
complete cds

CCCAACGCCAACTTCCCAAAGTTTTCTGATCTTGGAGCGGTGCCTTTGTTTTCTGTTTCGTGCTACTAACCATGCA
GCCGATTCCTGATGTAAACCAGCGCATTGCTCGAATCTCTGCTCATCTTCATCCTCCCAAGTATCAGATGGAGG
AGAGTTCAGTTTTGAGGAGGGCGAATTGCCGGGCCAAAGGCGGAGCTCCTGGGTTCAGAGTCGCAATACTTG
GGGCTGCCGGTGGCATTGGACAGCCACTTGCATGTTGATGAAGATGAATCCTCTGGTTTCTGTCCTACATCT
ATATGATGTAGTCAATGCCCCCTGGCGTCACTGCTGATATTAGCCACATGGACACGGGTGCTGTGGTGCGTGGA
TTCTTGGGGCAGCAGCAGCTAGAGGCTGCGCTTACTGGCATAGATCTTGTTATAATCCCTGCAGGCGTTCTCTC
GGAAACCAGGAATGACAAGGGATGATCTATTCAAATAAACGCAGGAATTGTCAAGACTCTTTGTGAAGGGA
TTGCAAAGTGTTGCTCCTAGAGCCATTGTCAACCTGATCAGTAATCCTGTGAAGTCCACCGTGCCCATTGCAGCT
GAAGTTTTCAAGAAAGCTGGAACCTTATGATCCAAAGCGACTTCTGGGAGTTACAATGCTTGACGTCGTCAGAG
CCAATACCTTTGTGGCAGAAGTATTGGGTCTTGACCCTCGGGATGTTGATGTTCCAGTTGTTGGCGGTCTATGCT
GGTGTAACCATTTTACCCCTTCTTCTCAGGTCAAGCCTCCAAGTTCTTTCACACAAGAAGAGATTAAATTACCTG
ACCGATAGGATTCAAAATGGTGGAAACAGAAGTTGTTGAGGCCAAAGCAGGAGCTGGTTCAGCAACTCTCTCA
ATGGCATATGCTGCCGTTAAGTTTGCAGATGCATGCCTCAGGGGCTTAAGAGGAGATGCTGGTGTGTTGAG
TGCGCGTTCGTGCTTCTCAGGTGACTGAACTTCCATTCTTTGCAACAAAAGTACGACTTGCCGCAATGGTAT
AGATGAAGTATACTCCCTTGGCCCGCTAAATGAATACGAGAGGATTGGATTGGAGAAAGCAAAGAAAGAGTT
GGCAGGAAGCATTGAGAAAGGAGTTTCTTCATCAGAGGCTGAAGAGAGGCCAATTACCATTAGCTTTAATA
GAAACATTCCGTCTCTTATAGATTACTCGTGCCACATGTTCTCCGAGAGATTGATGTTGAAACCAC

>trans_s_754 XM_002877910|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata reticulon family protein, mRNA

ATCAGAGGATTATACAAAAAACATCCTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTTTGTAACCAGTAAAAA
AAGGAAAAAGGAAATGAAGGTCAATACCAATTCCAATGGGGAAATGAAGAAGGAGAGGAATGAAAAGGCA
CGAGGGGCATGGCGCTTTTGACCTGTCAGCTGGCCCATTTCAATTTCTTACCATTCCAAATAGTCTGCCTCTCAA
CACACTGAGTGGACAACAAATAAAAGTTAAACACACAACTTCTGTTTTCTTTTCTGTTGGCTGGCTGCTTC
AGACCTCTCTGTTTCTGTTTCTTTGGGGTATTTTTGAAATCAAGATCCTCTCTTTTCAATTCTTTTGATGGGTTC
TCCGATCGTTTATTTGTAGGCAGCGAACCTTCATGAAATTGTTGGCGGCGGTATTGTTGCAGATGTAATTCT
TTGGAGACGGAAGAATCTAACTGCGGGGATATTGTTAATAACGCTGGCGACTTGGCTGGTGTGTTGAGAGATG
TGTTTACACCTTTTGTCTTTAATTTCCAGTGTCTACTTCTTCTGTTACCATTATTTTTCTCTGGGCCAAATCTG
CTTCCATTCTCAATAGACCAGCGCCTCCTCTTCTGAGTTGTATCTCTCAGAAGATATGGTAAACGAAGCTGCA
TCTTTCATCCGTTCCCATGTGAATACTTTGCTGTCTGTTTACAAGATATAGCCATGGGAAAGGACCCCAAATT
GTTCTTCAAAGTAGCTGCTTGCCTGTGGCTGATCTCTGTTATCAGTGGCTTGACTGATATTATTACTTTGGGTTA
CACCAGCCTTCTACTCGTGCTTACAATCCCCGATTGTATGAAAAGTATGAAGATTATGTAGATGAACATGCCA
TATTGATGTACGGAAAATTGTATCAGTTCTATGTGAAATTGGATGAGATGCGAGTTCTGACATACCAACAATG
GATTTTGGAGAAAGAAAACTGAGCTGATCAGCAATCTTCTTGTTCATGGCTTCCTCTCTCTCTCTCTCTGTCT
CTCTCGCTCTTCTTCTTGTTCATTTTGGATGTGTTTATGGGGTCTTTACACCCACTTTGGCTAATGGCTAGCA
CCTCATGAGTGACAGAAGTGTGAGAGAAATGATCGTATTTTGTTCATAACTTTGTTTTATTCTCTGATTGCTG
CTAGAGAAATGTATTTAGAAACGGCATATTAAGAATTTTGAATCTTT

>trans_s_755 NM_001055397|Oryza sativa Japonica Group Os03g0131300 (Os03g0131300)
mRNA, complete cds

AGGAAATGCTGCTCCTAATACAAATCCACTTCCTAATCCCTGGGGTAATAATGCTAGTGGAGGAACTCAGACC
ACAACCACACAGCCAACTCCAGCTGGTGATACAAGGGCTCCTGGTATTGGGGGTTTAGGAGGGGCTGGTTGT
ACAAATGTAGATCGTTTTGCTGGTGCTGTGCCAGACCCAGCTCAGTTGAATCAGTTTCTGCAAAACCCAGCTAT
TTCACAGATGATGCAGAGTCTGCTCTCCAATCCTCAGTATATGAATCAAATCCTCAATCTCAACCCACAGCTAC
GAAGTATGGTTGATATGAATCCTCAATTAAGAGAGATGATGCAAAATCCAGAGTTTGTTCGCCAGTTAACTAA

TCCTGAGATGATGCAGCAAATGCTATCAATTCAGCAGACCCTCCTCTCTACCTTAAATCGACAGCCATCATCTC
AAGATGCTGCTCAAACAGGTGCTGCAGCAGGTGTCCCTAACACTGCTGGATTGGAGATGTTAATGAACCTGTT
TGGTGGACTCGGTGCTGGCGGTTTGGCTGCTCCACACAATCCCAATGTACCCCAAGAAGACTGTACGCAACT
CAACTTTCACAGCTCCAAGAGATGGGTTTCTTCGACACTCAAGAGAACATCAGAGCTCTACGTGCTACTTCCGG
GAACGTCCATGCTGCTGTGGAGCGACTGCTGGGAAATCTTGGGCAGTAAAATTGATAAATTACCTACTTTTCTT
CTTTTAAAAAATTTAATTGGGATTTGTGATGCAGACATGTACTAGTGAAACTATAGATCTACAGACACAAACA
GCTGCACATGGCAGAGACATTACAGGTTATGTTTGGAAATCTGAATAATTGAAAGTTCTTCCCATGAAATAGA
GATATATATAGATTTGTGGATATGTTATGGATATTACTATATCAAATTTGCTGCTCCCTTCCCAATTTTCATCAT
CCATCCCTCCGGAAAGACTTGTAATAACATTTTAATGTTTGATCAGCAGCAGTCGTTAAATTCTTATCTTTTTTC
TTCAAATCTTATCTTTTTTCTTCTTTTTTGGAAAGACATGTTTATGCTGATTGTGTTGTCTTTGTCTCTCTAA
TTCTTTGATGAAATTGGTGAGTTTGAGAGTGTGGATTTTGGTATTATTGCTCTCATCTTCTTGTGTAATTAATG
GACAGAATCTCCCATTTCTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_756 NM_180178|Arabidopsis thaliana FMN binding (AT3G03890) mRNA, complete cds

TTCAATCATCGTCTTCGTCTTCCACTTTCCATGGCTGCGTCAACGGACTCCACTTCTCAGGCTCCGTCTGGCTAT
GCTAATAGCGACGACATTGATGTATCGAAGTTGATTCAAGCTCATCAGGAAAAGGCGGCTCGGCTTTCGCCAG
CTGAAGAGATTCTGAACATTGCTGGATCAGAGTGTGCGCGGGACGCTCTCCACCTTTTCCGGGTTCTTAGTAA
TATGGTATGCACCTTTGCAGAGCTTTGAAGGTTATCCGTCTGGATCTTTTGTGACTTTGCATGCGATGCTGAT
GGTACACCTATACTTGCTGTGAGCAGTCTAGCAGAGCACGTAAGAACTTGGGAACTAATCCGAAATGCTCAT
TGCTTGTGGCAAAAGAACCCGAGGATAGGGGAACTTTAGTGGTCACTCTTCATGGTGTGCTGTGGCTGTTTC
TGAAGAGGATAGACCTGCTGTTCTGTGCTGCATATTTGTCCAAGCATCCAAATGCATTTTGGGTAGTAACCAATT
CTCAGAGTACTTATGTTTATCATTGAAGTTTTTTTCCATTTATGCATCAAAGATGAGTAAATATTTCTCCCTTGT
GAAGGTTGACTTTGGCGACTTCAACTTTGTGTATATCAAACCAAGAGTGATACGATACGTGTCCGGGATTGCA
ACAGCTTCTTTGGGTGCAGGAGAACTAAGCGGTGAAGAGTACATGGCAGCACAAGTTGATCCAATAGCTCAA
TTTGCAAAGCCTGTTACGTCTCACATGAATAGAGATCATGCTGAAAATACAAAGAACATTGTTGATTCTGCCAT
CATGCTGGATTTGGATAGCCTTGGTTTTAATGTTAAGGCTGATTATCGAGGGACTTCATTTAAGCTTCGTGTGC
CTTTTCCAAGAAGAGCAGAAAATAGAAAGGATGTCAAGACTCTTGTGGTGGAAATGCTAGAAGCTGCTAAGC
CTCAAGTTTAACCATTTTCGAGGAAGATGACCAATTAATTACTTGTCTCTGTCTAATTCTTATATTAATTTCT
CACAACCTCTAATTTCTGAGATTGCTCTTGAGATCTTTAAGTATTAACATTGCTTCTCATAAAATAGTTTTCAAG
TTATACATGGTATCTGAAAAACAAGCCATACGTGTAAATCTGATTACAATGTAAATGATCNAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_757 GU132851|Glycine max cultivar Essex RIN4a protein (RIN4a) mRNA, complete cds

ATTAATTTTCATTATGCTTCTGGTCTACTTCGAAATCTAAGCTTAATTAAGTCAATAATATAATGGAAGTTTCG
ATTTTCTTTATAGTATTCTTCGCGTTTTTCTTCCATTTTAGCCTTACGTTTTTTTTCTATTGTGCTCAATTTTATC
GTTTTGTTCTAACTTTTGCAGTGTGATGGAACCTTGAACAAGTTAAATAGGTTACTCCTTTTCGTTTCAAAGT
ACTGTTTGAGGATTAGGCCTTGTCTGAAGGCTAATGGCTCGGAGTTCACAAGTACCAAATTTGGTAAGTGG
GATGATGGGGATGATGTCCCGTATACAACCTATTTTGACAATGCGACAAAGGCTAAATTCGAGAGGATGAAT
CCAAATGATCCTCTTCTCACCGTGAGGAGATTTCAGAAACAGTGAGGTCAAATATGAGAATCAAAAAATCA
AAGAGGGTGGTGTGTGAGGAGGCAACCTGAATCTCCATTACACCATGATGCTCCGGAATGTCTGGTGGG
ATTATAATGGTATAAAGTCTGCAAAGAGACGGGGTCAACAATTATCAGGGCCAAAGCACACACAAGAAGATT
TGAGCATGGAAGATGGCAACATGAAGAAACAACCTGGTTCCCTTTGGACCATCGATCAATCGGTCAGGTTAG
CTTTAACTCGCCTCTTCATCAACGTCAAGGTAACAACAGCTCAACCAGTAATTCATCGAAAGGGACTATGAGA
AATGGCACGGTTTCTGAATGCAGCATAGAAAATTCTCCTCTCCATTGCGACAGCATCCAAGGACTGAACCAA

AAACTGCTGTACCATCTTCACCATTACGGGATAGAAGGGGCTCAAGTTCGCCTAGAGAAAGTAGTCATGAAG
GTTTAGCTCCCTTGA CTCTGGGAAGATCACGTCTACGATCTGTTCTCGGGGCAATGAAACCCCTGATCGTGGT
GCCACAGTCCCAAGATTTGGTGACTGGGATGAAAGCGATCCATCATCTGAGAACTACCTAATATTTTCAC
CAGAGTGCGCGAGGAGCGACAACTGAAGACGGAAGTTTGCCAGCTGGGACCAATGTTTCCAGTATTCGTAG
TCGTTCTGGTGCTGAAAACCTCAAAGAGATGTTGCTGTTTTCCATGGGGAAAATGACTGCAAGAAAGCATAGAA
TATGTTTTTAGCTTTTTCTAGATGGAATGGTATGGGTGGGAATTTTGTGTTTAAATGGA

>trans_s_758 AB444627|Nicotiana tabacum PEX7 mRNA for peroxin 7, complete cds

AAATAACCGAGAGGGTGAGATCAGACAGAGAGACTTCCTCCTCTATCATTCAACCATGCCCCTCTTTAAGAC
TCCCTTCAATGGCTACTCCGTCAAGTTTAGCCCTTCTACGAATCCCGCATCGCCGTCGCTACCGCCCAAAATTT
CGGAATCCTCGGCAATGGTCGCCTCCACGTCCTCGATCTCAATCCCGCCGGTCCCATAACCGAACACATCGCCT
TCGACACCGCCGACGGAGTTTACGACGTCTCTTGGTCCGAATCTCAGACTCCCTTCTCGTCGCCGCCATCGCC
GATGGCTCCGTCAAGCTCTACGACCTCGCTCTTCCACCCACTTCTAATCCCATTCGATCCTTCCACGAACATACT
CGCGAGGTTCACTCTGCTGACTACAACCCCGTTCGTCGCGACTCCTTTTTGACTTCCTCTTGGGACGATACCAG
CAAGCTCTGGACCCTAGACCGCCCCACCAAGTGTGAGAACGTTCAAAGAGCACGCCTATTGCGTCTATTCTCCG
TCTGGAACCTCGTCACGGCGATGTCTTCGCTTCGCGATCTGGCGATTGTACCGTTTCGATTTGGGATGTGCGA
GAACCAGGCTCCACTATGATAATTCCGGCTCATGATTTGGAAGTTCTATCTTGCATTGGAATAAGTACGACGA
TTGTTGTATTGCTACGGCTTCGGTCGATAAATCAATTAGGGTATGGGATGTTAGGAGCTACAGGACCCCGGTG
TCTGTATTGAATGGCCATGGATATGCAGTTAGGAAAGTGAAATTTCCCCTCATCGACAGGGTTTGCTAGCCTC
ATGCTCCTACGATATGACTGTGTGCTTGTGGGATTACATGCTGGAGGACGCTCTTGTGGAAGATATGATCAT
CACACTGAATTGCTGTAGGAATAGATATGAGTGTGCTTGTGAGGGCCTGCTTGCCAGCACTGGATGGGAT
GAGCTTGTTTATGTATGGCAGCATGGGACGGACCCAAGAGCCCCCTTAAGAAAAGGAAAGATTTTGCTACTTCC
TTTAAATTTATGAATTTTTCATGTTACAGTTTCATAGTTTTAAGTGAATAAGCCATTTTAGTTACAAAAAAGA
AGAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAGAATGAGCTACTTGTGGCAGAATATATTTTCGTCAAATTTGAAGTGA
TGTGTTATAATAGTCATTTGCTTTGTTCAAGATTGAATATAAACTTATTTTTCTC

>trans_s_759 FN430418|Prunus persica mRNA for epoxide hydrolase 3 (eh3 gene)

ATTGAGGCTTCATTTGAAAGAACTCTCACCTTTTGTGAATCAAGAAGTTCTGAATGGATAAATTTGAGCACAAA
TTCGTGGAAGTCAAAGGCGGATTGAAAATCCACGTAGCGGAGATCGGAACCGGTTGCAATGTCGTGGTTTTT
CTGCACGGTTTTCCGGAGATTTGGTACTCATGGCGCCACCAGATGATTGCTGTGGCCAACGCTGGATTCCGAG
CAATTGGTCTCGATTACAGAGGATACGGACTCTCCGATCCTCCAGCCGACCCCTCCAAGGCTACTTACAGCGAT
CTCATACCGACCTCCTTGAAGTTCTTGA CTCTCTCGATATCTCCAAGGTGTTTCTTGTGGGGAAAGATTTTG
AGCAATGCCAGCTTATTACTTTGCTCTCAAACACCCAGAGAGGGCATTAGGAGTTGTGACATTGGGAGTGCCA
TTCATGCCTCCTGGAAGACGTATCAACTTTATAGACTACCTCCCTGAAGGCTTCTACATATCAAGATGGCAGAA
ACCTGGACGAGCTGAGGCCGATTTTAGTCGCTTTGATGCAAAAACAGTTGTTAGGAATGTTTATATACTTTTCT
CTAGAAAGTGAATCCCAATAGCTCAAGAAAATCAGGAGATAATGGACTTGGTGGATTCTACTCCTCTGCC
TCCTTGTTTTACTGAGGAAGATCTTGCAGCTTATGGAGAGCTCTATGAGAAGTCTGGATTTCAAAGTGCATTAC
AAGTTCCTTACCGGTCCTAAGTGAAGATTGGGGAGTGGAAGATCCAAAAGTGGAATTCAGCTCTTTTTGT
AATGGGTGAAAAAGATTATGTTCTCAAATTTCCAGGAATGGAGGAGTATGTAAGAAGTGAATGGTGAAATA
CTATGTTCCAAAATTGGAGGTCATCTTTCTACCAGAAGGATCTCACTTTGTTCAAGAGCAATCCCCTGAAGAAG
TTAATCAGTTGCTACTGAATTTTCTTGCCAAGCATACATGATTAGGACATCCCAACACAGCTGAGGTTAAATCT
AAATAAACCTTATACTATCATGTACTTTTGTGGTTTTGGATTCCAAAACATGGCTACAATATGTATTATTGTA
TCTGATAAGTTAGAAGCGGACACAATCAATGACTTGTACTTATGAAATGCTCTTGTGGATGCCTATCTAAAGTT
GCAAGTTTATTTATAAGAAGAGTCTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

[illegible]

CTTGCTCTAGATCATTTACGACCAAGGATGAGGAGGATGATTCTGCCTCTAATTGAGAGGAAAGCTTTGAACG
TGAGCTTTTCATTGAGAGAGAGGAAAATCCACCAAGCAGCAATTGATTCCGGTGAATCTTGTAGCGATGAGGA
GATGTCTGGATCAGAGGCAGAACACCAACATTCGATGTCACGTCTAAATGACTCTGATTCTTTAAGGTCAATG
CATTCCGATTGCGAGAAGGAAAAATGAGAAACCTGCCTCTGACATTGGAAAGAGTTCCACATCAGCTAGGGAA
TCTAGCGAGATCAAAGAACTCAAAAGATGCCAAAGAACTCGAGTTTTAATCCATTGCACAGGGTTTCGAAAG
CATTTTGCCATATTGGGTTTACTCGATGTATGATTCATATTGTCTTGCTCAAAAAGCTGCAGCTATGTGGAAG
CAGATAGTGGGGGCACCGAATATGGATGGTTTTGTGAAGAATCCAGACATCTTATCCTTCTATATTGCTAGTA
AGATTCCAGTTTCTGAATCTACTAGACAGGAGCTCTTGGAGATTGATGGCATTTCATATAGATTGCGTCGGGA
AATTGAGTTACTCAAGTCTATTGATATCATCCAATGTAAAAACTGCAAGACTGTTATAGCCAAGCACAGTGATA
TGTTGGTGATGCCTAATGAAGGTCCGTTCCGGTGCTTATGTGAACCCCATGGTTATGTGCATGAAATAATGAC
TCTTTACAGAGCAAATGGCTTAGCACTCAGAGGACGAGCTGAGACAGAATACAGTTGGTTCCCTGGATACGC
GTGGACAATCTCAATCTGTGCAACTGTGAACTCAATTAGGATGGCTTTTTACTGCCACAAACAGGAATCTGA
AACCCAGATCGTTTTGGGGAATACGATGTTCCAGCTAGCCGATGCCACACGTTGACACTCGACTTTGGTTAG
CTTTTTCTAGACTTCTTTCTAGTCTGTAGAGAAAGTTCATGTTTGTATCTGAGAAAACGTACGTAAAAGTGATTG
TGTTCCAACTGCTCTGCCCCGAATATAGATATTGACTATATATATATATATATATTCATATGCGACGTGTAATAA
ACAGTTTATTGTAACATATATTCTATTCAAGCTAGCGGGAGGAATTGCTGGCTCGAACATATTTGAGTAATCTAA
TTAAAATGTGTCAAATTTTGTGCGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

ATACACATCAATTCTTCATCATCACCTCCTATATTCAAACCAATGGCCAACGGATTATTGAAGTTTACCCACTTC
ATCTCTCCCTCTTCTCTCCTTCCCCGTC AATGGCACC ACTCCTCCTCTTTTTCTCGTCTCGGCTCTCACGAATTCCT
CCAGACAGCTGAGGTGATGAGGAGTAGTGGGACGAATGCTTCTAAAAGAGTTGCTGTAAATATCATTGACGA

AGCAAAGAGGGGTTTACCGGATACTTATGCTACTTCTGTAAGAGAGCTTCTTGGTCCACTGAAGTTTGGCATT
TCCAAACAATCTGCTGTGTATGTGTGCGATATTCCTAAGGCTGCACTTGGAGGCATCCCTGTTTTATCTAGATG
GCAGAAATGTAAGGGCATCTGTTGTCAATTTTTCAACATTAGGTGTCACCACTAGATGTGATACGAGTGCTAGA
GGGCCGTGTTTTGCTAGGTTTATGTCATCAAAATCTTCAGAGAAACGTGGACAACTGAATCTGAGAGCAAAA
AAGAAATATCAACAGTGGAGGATCCATTTGATGCTCCTACATATAATATACCAGAGAAGCCTGTTACATTTGCC
GAGGGAGCTTCCTACAGTTTTATCATCCTCGCAAGGCTTGGAGTGGCAGCAGCTGCTGGATATGCAGTTTTTA
AGGAGCTTATATTTCAACCAAAAGAGTATAAGATCTTTGACAAGGCTCTTAAAAGGATTCAAGATGACAGCCA
GGTTAGAGTAAGAATTGGTTCCCCTATAACTGGCTATGGGCAAGAACTAGAAATCGAGCTGCTCGCCAACGT
ATCCCTAATAGGGTATGGACTGACGAAGATGGTGTAGAGCGTGTAGAGGTGAACTTTTACATCCGTGGACCG
CATGGAGCTGGGAAAGTTTATACTGAGATGTTCAAGGATCAAGTGGACAAGCAGTGGAAGTTTACATACTTA
ATCGTCGAGGTGAAATCACCTTCTCCGGCCCAATTGATCCTAGAATCTTATATGCCTGCCTGAATTTTGTGCAC
AAACCAATTCGCTCAAGATTTTGTATTAAATTATAACTGTTCTTAGAATCATCATCTCTTGTTTATAATATT
CTCCTTCTCTCGCCCCATTTAACTTTGGACTCAGGCTAATTTTTTCAAGTTCAATATTTCTAATCATTACCTC
CTCTACTCCTAGCGAGAGTTACATTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_763 AF134051|Solanum tuberosum fructose-1,6-bisphosphatase precursor, mRNA,
nuclear gene encoding chloroplast protein, complete cds

AGCACGAACAGCAACAACAATAAAAAACAAGAAGATTCTCTTCAATGGCTTCAGCCGACGACGCCGTGCG
CTTGCCATGTTTCCTCACCAGTAATCTCTCGTTCTCTCTCGCTCTCTCCATTCCACCTCTCCCTCTCATCCGCC
GTCCATCCCCCTTGCCGCGGAAACAGAAGGCACGGTGGCAGCACTGTTTCTTCTACCATCCGGTGCGCGGCCG
TCGGAGCTGCCAAGAAGCGGAAACGAAAAGGAAAGGCACGTTTCAGATCGAGACGTTGACGAATTGGTTG
CTGAAGCAGGAACAAGCCGGAGTGATTGACGCGGAATTGACTATTGTGCTTTCGAGCATTTCGATGGCGTGT
AAGCAAATCGCATCGCTGGTGCAGAGGGCGAGTATTTCCAATTGACCGGAGTTCAGGGAGCCGTCAATGTT
CAGGGAGAGGACCAGAAAAAGCTCGATGTCGTCTCCAACGAGGTGTTTTCCAATTGCTTGAGATCAAGCGGG
CGAACGGGGGATTATAGCATCGGAGGAAGAAGATGTGCCAGTGGCCGTAGAGGAGAGCTACTCCGGCAACTA
CATCGTCGTTTTTCGACCCCTCGATGGCTCCTCCAATATCGACGCCGCCGTCTCCACCGGCTCCATATTTGGCAT
CTACAGCCCAACGATGAGTGCTTGGCTGACATCGGCGACGATTCCACTCTAGGCACAATAGAACAAAGATG
CGTTGTGAATGTGTGCCAACCAGGAAGCAACCTTCTCGCCGCCGGCTATTGCATGTACTCGAGCTCCATAATCT
TCGTGCTCACCATAGGACAAGGCGTTTTTGCCTTACTTTAGACCCAATGTATGGAGAATTTGTATTAACACAA
GAGGACATCAAAATCCCAAGGCTGGGAAGATTTATGCCTTAATGAAGGGAATTATCAATTGTGGGATGAC
AAGTTGAAAAAGTACATTGATGATTTGAAGGATCCAGGCCCGAGTGGGAAGCCATATTCTGCTAGATATATTG
GTAGTTTGGTGGGTGATTTCCATAGAACCTTACTTTATGGTGGAAATTTATGGGTACCCCAGAGACAAGAAGAG
CAAGAATGGGAACTGAGGCTCTTGACGAGTGTGCACCGATGAGTTTCATAGTGGAACAAGCTGGAGGCAA
AGGCTCAGATGGCCATCAAAGAATCTTGACATACAGCCAACAGAGATCCATCAGCGTGTGCCTCTG

>trans_s_764 NM_001063635|Oryza sativa Japonica Group Os06g0207500 (Os06g0207500)
mRNA, partial cds

AAGAACTCTGTAAAGATCAAAGCAATGTGTTGGAAGCTCATGGAAAACAGGTTTTTAGAGGGGAAGCAGC
TACTCTTTCATATTCAAGGACTATAACTTCACCGTAGAGTTCTTTGTCTCTCCTTTCCTAGTCCGAGAATGGGA
GATGCCAGACAAGAATGGTAAACGAAAGAACTCTCCGTCTCGATTTGGTTGGGAAGTCGTCTGATCAGTAT
AAAGAAGCTGATATCATCGTCTTCAACACTGGCCACTGGTGGACTCATGAAAAAATTCAAGAGGGAAAGACT
ATTACCAAGAAGGGAGCCATGTTTATGAAGAATTGAATGTTCTTGAGGCGTTCCGAAAGGCTATAACGACATG
GGCGAGATGGGTTGATAAGAACATAAATCCAATGAAGTCCATTGTTTTCTTAGGGGCTACTCTGCATCCCAT
TCAGCGGAGGACAATGGAATCCGCGGGCAATGTGACAGCGAGATTCAACCAATCAAGAACGAGACATAC

CTAAGACACTACCCACCAAAGATGGTTGTTTTAGAGAAGGTATTGAAAGGGATGAAAACATGTCACATATC
TAAACATAACGAAGATGACAGATTTTCGAAAAGACGGCCACCCTTCCATCTACCGGAAACAAAAGCTAACAGA
AGAAGAGAGGAGATCGCCATTGAGATTTCAAGACTGCAGCCATTGGTGCCTTCCCGGTGTCCAGATGCTTG
GAATGAGATTTTATATGCAGAACTATTATTGAAACAACAACAGCAAAAGAGAACATAAAGAGGTACAAAGAA
AAAGAAAGTACATATTTATTTGGTTGAATTCATATCAAGATTATTTAGAAGATTAGTATTTTTTTTTCTTTTTTC
TTTTTTGGAATCATATAGAATAGATCAAACAAAACAAAGATGAATTCAAAGAATTGATATGAAATTTTTTTTTTC
TTCTACAATAATTTATGAGAGTAGGAAATAGAAAGAAGTATGTGTTCTTGTTGATCTTAAGGAGATCTTGTTTG
TGCTGTGAAGAAATTATGTTTCATATAAGATAGTAGAGGGGAAGAGGAAGAAGAGGATATTATAAGAAAGTAT
CAAATCTTCTATGGTGGTTACCAATTGTAAATTTTTAAATTTATCTCTCTTTTTTATTTTTGTTGAAATAATGTATT
CCCTTATATTATTATAAGTTCTTCTGTGAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_765 NM_102444|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT1G26800) mRNA, complete cds

AAAGCGCATACTTCCCGTGTGTTTTCCACCGGCATCAAATCCATGGGACCGACCTTACCGGCGCCAGGCGG
TGGTCCGTCCCGTCGGTCACCGTGTCTTCCACCCCTTGAACCTCATCATCATCGTTGTCATCACCATCTTAAAA
TTTTCTTCCATAATCTTCTCCCTCTTCGCCATGGACGCCTTCTTCTTTCTCCTTTCATATAATACCCTTTTTTTC
TTTTCTTCAATCCTATTTGATCTCTTCCCTTTCTCTATTTCTCTCTAAACGACCATGTCTGATTCCGATTCTTC
TCCCTCTCCTTACCGCCACCGCCTCCGCGAACCCCTTCTATGCTTCTCCCTTTCTCCTTGGCCTTGCTCGAACC
ACCACCGGATCCAACCTCAACCAGATCGTCGTTCTCGACCATGTGCGCGAACGGTTGTCGTTTTCGAAGGAC
ACGTTCTTGACTCTTCTTCTCGTGAATTATCGGAGAAATCTGGGCCCTTGCCGGCGTCCAAGGCTTCGATCGAT
GCGATGCCAGAGTTGGGGTTACGGAATTGGGGACAGATTGTGCGATTGCTTGGATGGATTGAAGTCGCC
GAGGAAGCCAGGGAGATGCCGTGTAAACATATGTATCATTCTGATTGTATTGAGAAATGGTTGAATGTTCTGTG
GAACGTGTCCGTTTGTGCGTTCTGATGCCGGTGGATGATCGGAGAAAGGACGGTGGTGGTGGTGGT
GATGTTGAAGAAGATGAAGATATGGAAGGTGGAGAAAGTGGAGAAGGACGGGTGGTGTAGTTAATTTGTG
GGTTAACGATGGTGAACCGATGGATGTTGAGTCGGGATTGGAACATGGATCAGAGGATTCCGATTCAGAATC
ACAAGATGAAATTATGTTGAAGTTGATGGCCCATCAACACAAGAACAAGATCCAAGTTCTGAAGATTCTTCT
TCATTTTCATTTCTGCTTTTTTCAACTAGTTATTTTTTTCTTTAATTTGATAGGCTTTTCTGGAAATGTCATTGT
TTGATTATTTACGGCCAATTACTTACTACAAACCCTCAGCTTTAAAGTCCAAATTTGGCCGTTTCATGAATTTTT
TTTTTCTTCTTCTGGGATTTGGCAAGTTTTGAAGTTGTAAATAATGAATCAGTTCATGAAGTTTGATTATATAT
GAAAATCCCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_766 DQ822909|Glycine max MYB transcription factor MYB107 (MYB107) mRNA,
complete cds

AGCAACAGCCTCCTCTCCCACTCCTTTTTCTTCTTTTCAAAGTATTAAACCCCAACGAAGAACGACAAACT
GTTCTTCACGAAGTGATCTTCAGATAATCCAAAAACGGCGAATCACAATGGGAAACCAGAAGCAAAAGTGGA
CGTCAGAGGAAGAGGACGCACTTTTGGCTGGAGTCAATAAGCACGGTCCTGGAAAGTGGAAGAACATTCTTA
AAGATCCTGATTTGCTCCCTCTCTCACTCATCGCTCTAACATTGATCTCAAGGATAAATGGCGTAATTTGAGTG
TCAGCACTGCTTCACAAGGCTCAAAGAGAGAAGTCTAGGGCAGCTCCTAAAGCAAAAGCCATCGTTGCCGCTAT
TTCTAACAAACCAACCTCTGCTCCTGCTAAGCCCAATGCATCTGCTGAGGCTGCAGGTGATGATACACCAAACA
ACAGCACACAAGATGGGAAAAATGTCCCAAGGTATTATTCAATGATTTTTGAAGCCCTTCAACCATAAAAGA
TTCTAATGGATGTGACATAGGTACAATTGTCACTTTATTGAGCAAAGGCATGAGGTGCCACAAAACCTTTAGA
AGGCAATTGAGCTCAAAGTTGAGGAGGCTCGTTTACAAGGGAAGCTTGAAAAGGTTGAGAATTGCTACAGA
GTAAAGAAAGACAATTCATTGGCAGTTAAACACCTACCCCTAAACAAAAAGATGTCAGGCAACGGATATCGC
AATACAACACTACAGGAGGGGTGATGCCATCAGCAGAGACGGTGGAAAGATGCAGCGAAAGCGGCTGCATAC

AAAGTTGCTGATGCAGAGAACAAATCTTTCTGGCTGCTGAAGCTGTGAAGGAGGCAGAGAGAATTGCAAAG
ATGGCTGAAGATACAGATTCAATGCTACAGATTATAAAAGAGATGTATGAAAAATGTTCTCGTGGTGAAATTA
TTCTCTTGGCTTAGATTCACTTGTAAGTTCAATGGCCAATCCCTTTGTTCTTGGTATCCGCATGTAAATCTTCAC
TCCAGTGGAATTTTCAGCTTTCCAGGCCTCCAAATCTACGTTGCCCTGTTTTTTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTC
TTTCTTTTTTTTCGGGACAAATCAAATTAATTTATAGTCGGGTATACACATATTTATCTAAATTTCTTCAAATGAA
CTTGTGTTTTCCATTGAAATTTGGTTAGACAAGAGTTATAACAAACCAAAGTTCCC

>trans_s_767 NM_105954|Arabidopsis thaliana root hair defective 3 GTP-binding (RHD3) family
protein (AT1G72960) mRNA, complete cds

TATGGACAGGGAAGGAAGACATACGGGCAATCACCAAAACGGCTCGTTCTGCTTCCCTGAAGCTTCTCTCTGT
TATGGCTGCTCTTCGTTTGGATGACGATGATTCCGGTGAGATAGACAATACTCTATCATCTTCCTTGCTATGTTT
CAAACAGTAGCAATACAAAAGATAGGAGCATTGTGGCAACTGACCCTCTTGCCTCAAGCTCATGGGAAAAAG
TTTACCATCACAAACGTGATTAGTCCTGTTTCAGTGCAAATCTATATGGCGGCAATTCAAGACAGAGACAGAA
TACACTGTTTCTCAGGCTATTGCTGCACAGGAAGCCAGCAGACGTAATAACAAGTGGTTGCCCCGCCATGGG
CAATTGTTGCGATGGTGGTTCTTGGGTTTAATGAATTTATGACCCTTTAAGAAATCCTTTATATTGGGAGTC
ATTTTGTCTCTATTTACTCGCCAAAGCCCTGTGGGTCCAGCTAGATATTTCTGGGCAATTTAGCAATGGTCTT
CTTCCGGGACTTCTTTGTTGTCTTCTACATTTGTTCTACCGTCATGAATCTTCTTAAAAAATTAGCAGAAGAA
GGACAAGGAGGACCACAAAGGAATGCAACTACTGAACCTCACAGCCACCCTACCGTGACAACAAAAAGCATT
CGTAACAACCTCTAGCAATGATTTGACATCAACGGCATCATCAGGCGTGACCGGGACAGAGACTGGTGGCGAG
TACTCCAGTCGCTCAAAAGAAGAGTAAGTTGAAGGAAAGGAGGTAATTATGGATTAATTTCTTCCATTGTTGA
CCCTTTGGTGGCGTCACCAAAAAATATAATTCATGTTTGTAACTATTGGGAAGAATGTAAGAAGAGGAAA
AAAAAAAAGGCTGAAGTTCAGGCTTAATTTTTGTGCTGAGAACCTCATGCTGTGGTTTGGGGTTTTGATAA
GGGAAAGCCCTTTATAATGGGTTTTCATATATCAGTATAGTGTGTTCACTTCATTCTCTGACCCCTTAGGGT
TTGAATAGACTAAGAATGTTTTGTCTTTTTTTCTTTTCTTTTCTTATATTATTGTTTGATTATCTGCTTTTTT
TTTTGCCTTTGATTATGTCTTATGAAAGAAGTTGTAACATTGACTGTGAGTAAATCTTTATCCTTAATTTATA
GTCTCAGACGTCTCTCTCCGCAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_768 FJ372981|Gossypium hirsutum Ted2 mRNA, complete cds

TGCTTGCTAAGAACCACCTTACAGTTCCACTGTAACCCCATCGTTTTCAAGCAATTCTTCTACCGAATTCCTCG
TCACCCGTTTGCTCCTTTGTCACTCATCGCTACCATTGAAGCTCAAGACTGATAATTTATTACGAGGGCGATT
TCTTCGAGAGCAGAATCGTCCGCCTTAGAAATGGTCAAAGCCATAAGGGTTCATGAACCTGGTGGCCCTGAG
GTTCTCAAATGGGAGGATGTGGAAATTGGAGAGCCAAAGGAGGGTGAGGTTGATTTAGAAATAAGGCAAT
TGGCCTAAATTTTATTGATGTATACTTCAGAAAAGGAGTATACAAGGCTGCTACCATGCCCTTTACTCCAGGCA
TGGAAGCTGCTGGGGTGGTGATCGCAGTGGGCCCTGGAGTAAACGACAGGAAAGTTGGGGATCTTGTTGCT
TATGCTGGAAACCAATGGGCTCATATACCGAAGAACAAATACTTCTGCTGACAAAGTTGTTCCAGTTCCTCC
CTCAGTTGATCCTACAATTGCAGCATCTGTCATACTGAAGGGCATGACTGCTCAGTTTCTAGTCCGTCGTTGCT
ACAAGTTGAACCAGGTCAATTGCCCTTGTTTCATGCAGCAGCTGGTGGAGTTGGATCCCTGTTGTGTCAATG
GGCCAACAGTCTTGGTGCCACTGTCATTGGTACTGTCTCAACCGAAGAGAAGGCAGCTCAAGCCAAGAGGGA
TGGATGCCATCATGTTATTATCTATACAAAAGAGGACTTTGTTGCTCGTGTTAATGAAATACTTCTGGAAATG
GAGTTAATGTTGTTTATGACTCTGTAGGAAAGGATACCTTTAGGGATCATTGGCATGTCTAAAACTCGTGG
CTACATGGTGAGTTTTGGACAATCATCAGGTACACCTGACCCAGTTCCACTCTCGGCACTTGACAGCGAAATCTC
TGTTTTTAACAAGGCCTTCCCTCATGCAATATACCACAATCCGGGACGAGCTACTGGAGGCTGCTAAAGAGGT
ATTGCAAAATGTAGAATCTGGCGCTTACGGGTTTCATGTTAATCGCACATACCCTTTATCTGAAGCTGCACAAG

CACACTCTGACCTTGAGAGCCGAAAAACAACCTGGGTCAGTTGTGCTTCTTCCTTAAAGACTGTCTTTTGAAAT
GGTGGTTTATGCTGGTGAATGATTGATTGATTATATGGAAAACCATTTCTCTTTATACG

>trans_s_769 NM_114788|Arabidopsis thaliana ABIL2 (ABL INTERACTOR-LIKE PROTEIN 2) (ABIL2)
mRNA, complete cds

ATCCCCACTTTTGCTTCAAACAGAACAGGACTTCTCAGCTTCCATTTCCATTTTTTTCTTTTTCTCTCTTTAAAA
CCAAAACCACAATGCCCTGATTTTCTGGCTTAATATTGACGTGCTCGCCTTGATGTTTGTCTCTCCCATTTT
CCTTCAAACGCCGACCACCCTCTTTTTCCCCTTCAAACCTTCCCTTCATACATTTTATTACAGGGGTTTTCTAAA
TTGTCGTTTTTCTTCTTTCAGTCAAAATCTTTACCAAACCCACTTGGTTTTTGCCTTCTTTGGTTCTATTAC
CGTGTTCACATTTTGAGGCTGAAAAATCAGATGGGTTTTGCCTACTCTCCTGTTTATAGCTTCTTCAACCTC
TTCAGTTTCATAACAATAGGGACAGACTTAGTAGTTTGTGTTCCAATCTCATTTTCTGGACTGAAACCAAATCTT
GTACAATGCCTATCTCACAAGAAACATCCAATTTGATGAGATTTCTATGAAGCAGAGTTTGATTTTCTCTGATT
GTCTCAAGGATTTAAAGAACCTGAGGGCGCAATTATACTCAGCAGCAGAGTATTTTGAAGTCTCATACACAAA
TGATGACCAAAAACAGATAGTGGTAGAAACATTGAAAGATTATGCTGTTAAAGCTCTTGTAATACTGTGGAT
CACTTAGGTTCTGTTACTTTTAAGGTTAATGATCTTTTGGATGAAAAGGTTGATGAAGTCTCTGGAACAGAGTT
TAGGGTGTGATGCATTGAACAGAGGCTAAGAACGTGTCAAGAGTATATCGATCATGAAGGGCATTCCCAACA
ATCCTTGGTGATAAATACACCAAAGTATCACAAGCGCTACATATTACCAGTTGGGGAGACCATGAATGGGGGT
ACCCAACTAAATCCAAGTACCAAGGGTGCAACCTAGATGATGAAGATGAGTGGCACCAATTTAGAAATGCC
GTCCGAGCAACTATCAGAGAAACGCCACCATCCATTATAAGTAAAGAAAATTCTCCTGTGCCTTCTCAACGAG
CATCCCCGTCCCCGCAACCTAGAACATTCTCATTACATCTACCATGCCCAAGAAGGAATTAGATAAGCGATCA
GTTTCACCACATCGGTTTCACTTTTGCCTTGGCTCGCTCTCAGTAGGCCAAAGACACAAGGCTCAAGTCG
ATCGACTACTCCCCACTCAAGTCGGCCAACCACTCCAAGTAATT

>trans_s_770 NM_001060715|Oryza sativa Japonica Group Os04g0665800 (Os04g0665800)
mRNA, complete cds

TTGTAATTCATTGGTTAAGAGGAAAACTCTTCGGTACGGAAGAAATGCTGCGGATCTCTCCCATCGGACTCA
GAAGCCGTCTTCTTCACAATTTCCAGCTCTCGAATTGCTGTTGAAGCTCAAACCAACCGTCTCCAATGGCGTCTT
CACACGCTTCTATCTTCACTTTCTTCAATTCGCTCCCCTCGTTACCGCCGCTTTCTCCCAACATCCTACCTTCC
TTTCTTCCACACTCCAGATTGCCGTTCACTGGCCGTCGCCGAGACTTATTTGCAGACGGCTCTGTAGAGCTAT
GGTTCAGCAGGCCGCTCAAGGAGCTCCGGCAATTTATGCTAAGGAGATGGAGAGACTCTCTGCTAAAGAATC
GCTGCTGTTGGCTTTCAAAGATTCTGGAGGATTTGAGGCTTTAGTTACTGGAAAAACAACGGATATGCAGAGA
ATTGATGTGAACGAGAGGATAACTGGTCTTGAGCGTCTTAATCCAACCTCTCGACCAACGACGTCCCCTTTTCT
AGAAGGTAGATGGAATTTTGAATGGTTTGGATCTGGAAGCCCAGGACTTGCTGCTACGATAATATTTTCAAGAG
TTTCCATCAACTCTGGCTAATTTGTCAAACTGGATGCATTTATCAAAGATGGAAGTCTAGGATCACTGCAAA
TGTTAAGCTATTAAATTCAATTGAAAGTAAAGTTATTTGTCCACCAAGTTATCAGTGGAAGGACCCTTACGAT
TGAAAGAGGAATATATTGAAGGGATAATTGAAACACCTTCTGTTAGTGAACAAGCGGTACCAGTTCAGCTAA
AAAGCGCATTGGTTCAGGTAGTCAACACAGTGCAGCAACTTCCAGTTCCTATCAAAGATGTCATTGCCGAGG
GCTAAGAGTTCCTCTAGCTGGATCTTATCAGAGGCTCATGATGATTTCTTATCTTGATGAGGAAATTCTAATTA
TTAGAGATACTTCTGGGGTGCCTGAAGTCTTACAAGGCTGGATTCTCCTCCATCTCCCTTGGAGCCAAACACA
TCAGACTATGAAAGCTAGTGTAACTTTCTTCAATGCAATTCATTATAATAAATTCAATTTCTCCCTCTTAGATT
CTTTTGCCTTTTCACTCCATACACTCCACATTAATGAATGGCATAGCAGTTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_771 NM_001064731|Oryza sativa Japonica Group Os06g0646000 (Os06g0646000)
mRNA, complete cds

AAGGAGGAGGAAGAAGAAGAAACAGAGTTCAGAGGAGCTCTCTCAATCCATTTTCATGGCGGTAGCAACT
TTCTTTCCTTCTCAAACCTTCATATAATAACAGCCATTATCTTCTCGCAACATCCAATTCGGAATCCTCTTCGTTT
GTCCACTCCTCGTTCCTTCTCCACCATTGAGCAAGCTCGGCTCTCGTTCCTGAGTCGGATTCCGGTACTCA
ACAAGATCAGAATTCGAAAATTGACGTGTTTTCATGTCCGGTTTGTTTTGAACCATTGTTGAGAAAAGTCCGC
CAGGTTTTAACTTGCCAGCTATTTATAGGTCTGGTTTCAAGTGTAGAAGATGCAATAAGTCATATACCAGCAAA
AACATCTTTTTAGATCTCACAGTTACTTCTGGAATGAAGGAATATGTTGAAGTCAAACCTGGGGGAAGTGGTTCCCA
GGCTCGACGAAGAATTTAAAATGGCCATGGAGTATTTAAATCTGTTGAAGGTGGTCTTTTAGTGATGCAA
GCTGTGGTAGTGGTTTGTTTTCCAGAAAATTTGCAAATCTGGTTCCTTCTCAGGTGTAATTGCTCTTGATTCT
CTGAGAATATGCTTCTCAATGTTATGACTTCATTAAGAAGGATGCTACTCTTGAACAGTAATCTTGCTCTTG
TGAGGGCAGATATCTCTAGGCTTCCCTTTTCATCAGGATCAGTAGATGCCGTTTCATGCTGGAGCAGCCTTGCA
TGTTGGCCATCTCCTTCAAATGCTATTGCTGAGATCACTCGTATAATGCGGAGTGGTGGAGTATTTGTGGGAA
CCACTTTTTTGCGGTACACTTCGTCTACTCCCTGGTACCTAAGATTTTTAAGAGAGCAGCGTGGTTTTAGCCAT
ATGGCTACTTAACGGAGGAAGAAATAGAGGAATTGTGCAAATCCTGCGGTCTGATTAAGTATTCAAGCAAAG
TCCAACGATCTTTCATTATGTTCTCTGCCAGAAGCCTTGAAAGTAAGTTCTCAATCTCATCTACATTATGTTGT
CTATGTTGAGAAAAAACTTTAAAGAATTATATTGATAAGTAAATACAATACCTTGTAATTGTTGGAAGTAA
GAATAATTGATTGAATTGAATATAAATTATATTGAGACGAAAAAAA

>trans_s_772 NM_129312|Arabidopsis thaliana SLT1 (sodium- and lithium-tolerant 1) (SLT1)
mRNA, complete cds

TTATATGAATGGTCATTCTCGTCAAGGGGAGCGCTCTTCCGTTTAGTGTTGATAAAGGTTTTGTTGATCTC
ACAGAATGCAGCGTAAGCATTATCGGGTCTCTCCAATCCTCAGTGTGTTACGGAGTTGAGGTTGTTCCGTC
TCCTAATTTGATGAGCCTTGACGAAGAAGACAGGAAGAGGTGGGCGGAACCTCACAGGCAGGGATTGAATTT
CACCATCCCTCCTGAGGCAAGTGACTTCAGTTCATGGAGAAATCTTCAAATACCGATTTTGAAGTTGAAAGGC
CTCCCACTCTTAAGAGTGCTCGAATTCTCATTCTCATTGAAGAACTGCTCAATGGATCTGTGCTGAATTTAT
CTACTCAACCATCAAACACAGTAACTGCGATGGGATGGATTTATCACCTGTCAGCAGCAAGAGGAAGAAGG
ATTTCTTCTCGAACGGCAACGATGATGATTGCTACTTGGCTGTGAATAACCATACGTCTGATCGCATTTCCGAT
ATGGAGGTCCACCCAACGGAACCACTGGTTGAACGACTTTAGCGGGTAATGAAGAATGCTTATGGGCCA
GTAACAGCTGCTAAATCGATATACGAGGATGAAGAAGGTTATTTAATCATCATCAGCTTGCCTTTTGTGATCT
TCCAAGTGTTAAAGTCTCGTGGAGGAACACTCTCACACACGGTATTATAAAAGTATCTTGTGTGAGCACGTCG
GGACTGCCCTTCATCAAGAGACATGATAGAACATTCAAGCTCACAGATCCATTTCCCGAACACTGTCCCCCTGG
TGAATTTGTGAGGGAGATCCCTCTAGCAACTCGAATTCCTGAAGATGCTAATATAGAAGCATATTACGACGGT
CCAGGATCTGTCCTTGAGATTATGGTGGCGAGGCTCCGTGTCGGTCCAGAGGAACATGAAGTTCGCGTCTGCC
GTCGTCCCCATCTCGGGGGTAATGATCTTATGTTAACTTGAGATGTCCATCTGTTTAGATCAAATAACAGTTG
TTGCTGGAGGTAGGCATTCACCTCACTGTTTACTAACTAAGCTTCATTTTAGTGTTCTTTATGGGAAGAGAAT
GTACTTTTTTTTTTTTTTCTATCTGTTTCTTTGTGATTCTTTGCTCACTAAATTTATGCATCATATTTAGAAATTG
ATTGCGAAAAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_773 BT029183|Arabidopsis thaliana At4g35910 mRNA, complete cds

GGAAGCGTATACACAATTCGAAAGCTTGCAACGAAGAACATTTGTCGCTCTGAATCTTAAGGCGTTTCAATCT
CTACCATCTATGGCATGTAATTCCTCAGCCTGCCAGTCCAACGCTACAGAAATCAACATGATGAACATACAAT
CGAACAAGATTCACCTCCTTCAAGCAGGCCCGGTACAGCAGCTGTCGGGGAGTCTCGTATCACGAACGACGA
CAATAGTAATACGAATCTCTGCTTTAAATGCAAGTCCAAGGAACGTATGTCTACCTCCGGAGTAGGAGACGAT
GGACGGCTTTCAGTGATTGCTTTCGGAGCAACTTGTTTGCTAAGTTCGGGCAGGCTGTAACTCCAATGCCA

TGATCTCTCCTTCTGATAAAGTGCTTGTTGCGTTCTCTGGAGGCCCTTGTTCCAGGGCCAAGGGTATTCCTTGC
CGGCAGATGTACAGTATATTGATGCAAGGTGGGAGGTTCCAGTTGTACTTCTCTACTTGACTGTCTTGCACA
AGAGCTCAACATGCTTTGCTGCATTGATGGTCTAAAGACAGTGGAAGTACCAAAAAGTCCAGTTCTGGCATC
AATGATCTGGTCTCCTCATTTGTGGCTCTTTTGCAGGTAGAAAATCCTTCTCGTGAGTCTACAATTGTGAGAAC
AGCTGGCAAGCTTACTCCATTCAATTTTAGCAGAATACCAGATTTGAATGAAAGTAATAATGTTCCCTTTGGCCA
CAAAAAGGCGCCAAAAGAGAAATAACTTTAAGCATGTAACTCTTTATCTTCGGAGTCATTTTGTGCTGTCTGT
AATGGGCCACTTAACACGTCAGATGTGCAAACTCGCCATGCAAGTTCAGTATTTTGGGTGCTTGTTGTTCAA
GTTGTCAATTTAGATTCTTCCAAGGATTCTTTGTCTCATGAAGTGTTCCTTCACTCTTGCCACCCTCTATGGT
TGCTCGAGCTACACATGGCAGCCTTGGCAATCCAATTCGCTAAGGAACAAAATACAGGAGTTCTTACTCTCG
GATGATGATGCTGAATCGTAAATCAGGAGTTATTTCCCTCAGTTCAACGACCGGTAAACAATGCCTTGCGATT
ATAAATTGAATTGATTGCTATTAGGAACAAGGTGAATTCAAGATATACTTGACTTCTGCGCGTCCCTATTGTT
CTTTCTATGGCTATTGGTTGCTATAATGAAGGAAAGGATCAGAAGCCGCATTG

>trans_s_774 AY045637|Arabidopsis thaliana AT3g23280/K14B15_17 mRNA, complete cds

ATGATTGTCAGAGTCCTCTTGATGTTGCTAGAGCAAAAGGTCATAGCAATGTTGTTTCGTACAATCGAGAGTCA
TATATGTTTGTCTCGGGTGGTTGCGGGAATTCTATGGACCAGGATTTTGGAACTATTGGCTCCTCAACTGG
TCTCAAGGAAAGTCTGGGCTGTTATTTTACCATGTGGGGCGCGGAACCTTTCAAAGCCTTTCAAATTGGAGCT
TGCAATCTACACAACCTCTACAGGACGCCAAACCTCGTACTGTTGTTCCACTGTGGAAAGCCGATTGGATCAGT
CGAAGTTACAGCATTCTGATCCATCAGTTTTGATTGTGGACAACGCTGCAAAAACCTCGATTGAACTTGCATCT
GGCAATGAAAATGACAAGGAACAACCTCAGTGGTTTTGCAATGCATGCAAAGGAATTGCTTCGATGATGCAC
CCAACATTTATGAGTGGTAACCATGGTCCGGGTGTGTCGGCAACTGCACCACCAGACTCAGAAGATGTGGAG
CTAGCCATGGCCATTAATGCCTCCATCCAGTCAGTTATCCATGGAAGACCACCCTTTCTGACCCCAATCCAAG
TTCTGAAGCAAGTACATCTAGTAGCCATACAGGTCCCCTTGACAAACAACACATTCTACAAAATTAAGCACTA
ATGAATCAGAAGTGCATGAAGCTGGCCAGAGCATCACTACAAACGAACATCCTCAAATCCAGAATAATGTCAT
CCCTCCAGATGCGGTACCTTCAGCCCCATTGGCAGCCGATGAGATTCTGGAGGATGATGCAATTCATATCCTT
CAATCGATTCAAGTCCAATTGAACTGTCATCTCAACTGCTGATAACGCTCCCTTGCGAGCTGGTGAAGGAAA
AGATGAAACGAGTTCTTCGTCCTGTGTCATATGCTTGATGCCCTATTCAAGGAGCCTGCATTCCCTGTGGAC
ATATGGCTGGGTGTATGAATTGCTTGACCGAAATCAAATCGAAGAAATGGGGATGCCAGTTTGTCTGTGCCA
AAATTGACCAGGTTGTCAGATTGTATGCTGTATGAGTCCAGAGCGGTGAATAATACTGTGAGTACACTCTTTA
AATGTACAGATCCTGTTTATATAATTTTGAACATATATAAATCAATGTGATATCTGATTGTGTGGACACAAAAG
TGATAATGTAATTTGAAAAAATTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_775 DQ335779|Medicago truncatula cytochrome P450 monooxygenase CYP51G1
(CYP51G1) mRNA, complete cds

ATGACCTTGACAATGGAATGCTCCCAATCAGTGTTATGTTTCCCTACCTTCCCATCCCGGCTCATCGTCGTCGTG
ATCAAGCACGCAGCAAGCTTGC GGATATCTTTGCAAAGATCATAGCTTCCAGAAAATGCAATGGGAGTTCAGA
TAATGATATGTTGCAATGTTTTATCGACTCAAAGTACAAAGATGGGCGGTCAACAACAGATTCCGAAGTCACT
GGTTTGCTCATAGCTGCTCTTTTGCAGGTCAACATACTAGTTCTATTACCTCAACTTGGACTGGCGCTTATCTC
CTATGCCACAAAGAGTACATGTCTGTCTTAGAGGAACAGCAAAGGCTGATGGGTAAGCATGGCGACAAGATT
GATCATGATATCTTGTCTGAAATGGACAATCTCTATAGGTGCATTAAAGAAGCTCTCAGACTTCACCCTCCACT
GACTATGTTGATGCGAAGTTCGCATAGTGATTTAGTGTTACAACCAGAGAAGGGAAAGAATATGATATTCCA
AAGGGTCATATAATTGCCACATCTCCAGCTTTCGCTAACCGACTTCCTCATGTGTATAAGGATCCCGACAGGTA
TGATCCAGACAGGTTGCCCCCTGGGAGAGATGAAGACAAGGCGGCTGGACCATTCTCCTACATCTCGTTCGG
AGGTGGTAGGCATGGGTGCCTCGGCGAACCTTCGCTTATCTACAGATAAAAGCAATATGGAGTCAGTTGCTA

AGAAATTCGAACTGGAGCTAATATCTCCTTTCTGAAATTGATTGGAATGCTATGGTTGTGGGTGTCAAAG
GGAAAGTTATGGTCAGGTACAAGAGAAGGAAGCTTTTCAGTTAGTTAATGGGAAGAACGTTCAAGTCTTTGTA
AACTTAACCGTATTTAATTATTGCTGGGATGTTTGTCTTTCTCCCCACCTCCACCAACTTCATTTATGCAATT
CTTCAACCGTTTGTGCTTCTAGGAGGTTTCTATCATCGAGTTTGACCATAGGTCCCTTCAGTGTTAAATCTAAT
TTATGTTAGTTTGAATATCGTTTTGTTATTGTTAACCATTAAAAATGGGTGTTTCTGCATTCTAAGTTTATTAGA
ACCTCTAAGTTTCTCTCCATAGCGGAAGCTCAAAATACAGGGTGTCTTGCATGCTCAGATGAGAGAACATAAT
ACAATCAAATCGAATTTTCATGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_776 AF462857|Arabidopsis thaliana At1g29350/F15D2_27 mRNA, complete cds

TCTTCTGCACCAGCAGATGTATCTTCAGTTGCTCACTCTGAGGCTAGAAATTCTGAGTATTACGAGGATGACGG
TGCTAACTCGGATGGGAACCTTATCCACAGAACTAGTGCTAGTGGTGGGTATTACGAAACACCTACTACACAA
GCAGAGGTGAAGCAGGAAAGCTCTGAAAATGCTCAGGCTAATCTATATGCATTTCCATCCTCTTCTCCTGGATT
TAGTTATGAGAGCAACCAACCATCAGAAATTCATTTATACAGAATAGTTTCAGAAATGCAGAACCTTGAAAGA
GCAATGCTTGCATACAAATACTTTATCCAACAATATGTTGTTGGCTTCCACATCTCAGACAGTGAGGGAAGA
TCCTCAATATTCACTTTTCTGACACACAGTCGGTGCCGAAATACAGCAATGTTGCTTCTCCATCACTGGCCC
CTCCATGTCCATGCCGGAGGTTCTAAGAACAAGTAGCATTACTACCTCTCAGCCTACTCCACAGTCCAACGTTG
CAGCAGGACCAGCCGTTCCACAACACCTTGCTGTTTCATCCTTATCCCAGCCCACACTTCCTTTGGGTCATTTTG
CAAATATGATTGGCTACCCTTTCTTGCCACAGAGCTATACATATATGCCATCCGGATTCCAACAGGCATTTGCA
GGTAACAGTACATACCATCAAGCTTTGGCAGCAGTACTTCCACAGTACAAAAATAGCATTTCTGTTAGCAGTTT
GCCTCAGTCTGCTGCTATTGCTTCTGGCTACGGATTGGAAGTTCAACTAGCATACTGGAGGAAATTTCCCGC
TAAATCCTCCACAGCACCTGCAGGATCATCATTGGCTATGAAGATGCTATTAGTTCACAGTACAAAGATAGT
AATCATTTGCTGTCCCTCCAGCAGAACGATAACCCAGCAATGTGGATTTCATGGGCCTGGTTCCCGAACAAATGT
CTGCTGTTCCCGCTAGTGCATATTACGGCCTTCAAGGGCAGAATCAACAATCTAGTGGATTCCGACAAGCTCA
ACAGCCTTCACAACAATATGGGGCTCTGGGATATCCTAACTTCTATCATTCTCAGGCGGGTATATCACCAGATG
GCCAACAGCAAACCCTCAGGGACGCACCTCTGGGCGGGTCTCAAGGTCAACAGCCGAAGCAGTCGCAACAGA
TTTGCAAAACAGCTACTAATAGGCTGAGTGTGTCATAGTAGTGGGCAAT

>trans_s_777 AB531021|Malus x domestica MdTCP4A mRNA, complete cds

GGAATTCGGAATGTACTATGCAAAATTTGCAGAATATTTGCACAGAGGATAACCATAATAGCGACAACCTCCA
ACTTTCTTCCACCATCTTTGATTTCGGATTTCGATTGTCGATACCTTCAAATCGTTTTTACCGGTGACTCCGACGG
CAGCGGCAGAGACACCGTCGTCTATTTTTGAGTTTGACACGTTCCCTCCGGATTTACTTTCCAGAACAAGTAGC
CGAACGCAAGATCTTCGGCTCTCCTTGCACTCTTTCACGGCCCAACATCGAAGCTTGAATCCGAACAAACACA
GCAAAACGACAATCTCTATTTCTTGGAACAACACCATTAGGTTGCTTCGACGGATGGTCGGAGCAGCAACCC
TCACCGACCATGGAAATCAGTCGATTTAGAGGATATTGAATTGGAGCACAGTGAGTGCAGATCATAGTGGA
GGCGGAGACGGCAAAGCTGGAGGTGTGGATGGAGAATTCTTATACAACCTCGCAACCAACAAGCTCGAGTTTT
CCTCCGCCATCGCCGCCGTTGCCAATTCTGCAACCGCTATTTGGAGAAAACCAAGTTGGTTTTCTCAGAGGGGAC
CCCTTCAGTCCAGTTACACGCCCTCGATTTCGCGCTTGACAGACCCGTCAATCGCCTTCATGGATAATCAGCAG
CAGCTAATTCACCGTCGATCCACCAATCTTCTTTCCGGGTCTTGGATTGCCACCGGCGGATTCTCCAGGTTT
CTAATTCGACGCGAATCCCGGTGAAGAGGAACATGATGGTACTTCTGAAAAGCCATCCTCTGCTTCTCCA
ACTCCCGCCATTGAATCTGCTTAAACAGCTGCTTAAATCTCTCCCTATTTTGTAAGTAACTACGTTATATTAAGT
AGCCGGTTTATTCACTTCCAAGTTTAGTTCTAACACCATTTATTTAACTGTAAATCTTTATTCGCAGGACTTGT
CATCGTTAACTAATAAAGTCAGTGAATAAGCTGCTTCCCATGATGGCTTGTTCAGGGAGCAGAATTTGTG
TCACTTTCTCAATGGCTTTTACTGTGGGAAGAAGAATCCTAAACTATATCATCAGGTTTCTTCATTTCCCGATT

ATCTCCTCTTCTGTTTATGTTTTGGGTTTTCTTTTCTGTTTGAAAGCTTGCCTATATCTATCTCCATTTTCAGAGC
TTTCTATGCTATGGAGTAGTATCTGTTTTGTTTCAGCGTGTATT

>trans_s_778 NM_123737|Arabidopsis thaliana glycoside hydrolase family 47 protein
(AT5G43710) mRNA, complete cds

ACAGTTTGCAAGCATTTTGGTCAGGGCTTCAGGTTTTGGCAGGAGATATTGACCCTGCAATCCGGACACATAC
TGCTTTTCTTAGTGTCTGGAAGAGATGTGGATTCACACCCGAGGGTTTCAATCTTGCTACACTCAGTGTTTCAGC
ATGGGCAGAAAAGTTATCCACTACGCCAGAGTTAATAGAGAGCACTTATTGGCTCTACAAAGCCACCCGAAA
TCCCAGATATCTTGATGCCGGACGGGACATGGTCGCTAGTTTGCAATATGGTGCCCGATGCCCATGTGGATAT
TGTCATATATCAGATGTTGAGTTTACAAGCAAGAAGATCACATGGAAAGCTTCTTCCTTGCTGAAACGGTAA
AGTACTTGTGGCTTCTTTTTGACTTGCCCGCGGGCCCTGACAACCTTGTTGGAATGTTCCATACAAGTATGTT
TTTAGCACAGAGGGCCACTTGTTGCCTGCAACCCCTCAAATATCCCTAGTTAGGGAACATTGTTTCATATCTTGG
GGCTTTTTGTAAAGTGAAGTGGAGCCCAATCTGGTAACTTAAATAATGCAACTGATGTTGAAGAAGCTAAA
CGTTCATTCTCCGAGGGAACAACCTCCACAGAAATTCGTCAAGCTCTGATTTTTCTGAGCTGACATCAACAAC
TGGGTTGATCAGGGGGTTTTGCCAGGACTGACTCATGGACAGAAGTTTGGTATAACGTATATTGGCTCGAAA
ATGGCAGACGAGTCCGTTAATGAAAGAGAACTGTGCAAAAACATTTGACAGTGGTTGAAACTGATCAAAAC
TCCGGGCATTGACATCTGATGAAATAAACCATGATAATTCTCAGGAGCCTGGGGAGGACTTTCTGAATGACC
CACATGCTATTTAAGGAACTCATTTTTTCAAATATATTTTTGGAATGACTTAAGAAGATCTGATGGCGCCTGC
CATCTGCTTCTCCATGGATCCTCCTTAACTTCTTTGGGATATAATAATTGGAAGCATGAAAGATTCTAACT
GCTGGTGGAGCTTATTGTCACAACCATGGAGGTATATTCGTCATTAAACGGCGTGAAACGAGAGCTTGGTAGC
AAAAAGCTGACATGTACAAACAACCTTGCTTTGTTTGCTGATTAATATTGAGTTCATGCAGATTCTGCTGATT
GATGCGTAACTTTTTTTAAACATTTTGGCCATTGTAACATAAAATTACTACTGC

>trans_s_779 DQ997706|Populus trichocarpa CBL-interacting protein kinase 16 (CIPK16) mRNA,
complete cds

CGCCAAGGGAAGATTCAGTGAAGATCTCAGCCGCAAATTCTTCCACCAGTTGATCTCCGCCGTTGGATTCTGTC
ATACGCGTGGAATTTACCACCGCGATCTGAAGCCGGAGAATCTTCTCGTTGATGAGAATGGGAATCTCAAGGT
CTCTGACTTTGGTCTCAGTGCGGTAACCGAACAGATCCGTGCCGATGGCCTTTGCACACTCTTTGTGGAACCTC
CGGCCTATGTTGCGCCGGAGATTTTGTGCAAAAAGGGATACGACGGTGCGAAGGTTGATGTGTGGTCGTGTG
GTGTGATTCTTTTCGTGTTGAACGCCGTTACCTTCCGTTCAACGATCCGAATCTCATGGCCATGTATAAGAAG
ATTTACAAGGGGGAATATCGGTGCCCTAAATGGATGTCGTCGGACCTCAAGAGGTTTCTATCGCGACTTCTGG
ATACGAATCCTGATTGAGGATAACCATCGAAGAAATTTCTAATGATCCGTGGTTCAGAAAAGGAGGAAATCC
AGAGATCAATTTCTACGATGATTACGAGATGAAATCGGAAGAGAAAGACGAATCTCCATCGATGAATTTGAAT
GCATTGACATTATATCTTTCTCATCTGGATTAACCTGTCTGGTTTGTTCGATAATTCACAAAACGTTGTGGAT
GACAGTGATCGATTCATATCGGCAGAGTCCCCGGAGAAGATCGTGGAAAAAATAGAGAAATTCGGTAAGGCT
GAGGATTTGAAGGTGAAGAAACAGAAAGAATTTGGGGTTGAATTGGATGCGAAGAATCATGAATTGGTAAT
CGGAATAGAATTTTCCGGTTAACGGACGAATTGGTGGTGGTGGAGATGAGAAGAAGATGTGGAGATTCAG
AATCGTATAAGCAAATGTTGAAGAAGAAGCTGAAAATTCATCTAACCCGCAATGACGCGTCGACGTCGACTTC
CCAATAAGAATCTGGCGACCGGAACCGGTGAGAGATTGTGGATTTCTTCAAACTCAACAAGAAAATTTAGGG
CATCATACCCATTTCTTCAATGTCCAATTGAATTTAAGAAAATCAATAATTCTAATAAAATAAAGAAAATTTAAAA
AAAAGGGGGGGAAGAACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGGAATCAAGAA
GGTTAATGAATGAAGTAGTTAAGAAGTATAATACATTTTGTTAATGTTGTATGTAATTTTTCATTT

>trans_s_780 NM_130087|Arabidopsis thaliana MAP1A (METHIONINE AMINOPEPTIDASE 1A);
aminopeptidase/ metalloexopeptidase (MAP1A) mRNA, complete cds

ATTCGCTATATTTTCAATCGTTCTGTTTCGATTAATTGAAAGTTCTCGATTCATATTTCTTGCCGGCGGCGGAAG
AGGACGGAGGAGGATCATTTCCGTTACTGGTTCGATGGCCGGTGGTTCGATACGGCCGAAACTGTTACCTTA
ACTTGCGCCAGATGCGGCAAACCTTCCCATCTTCAGTGTCCAAAGTGTATGGATCTGAAGCTTCCTCGTGAGG
GTGCTGCTTTCTGTTCTCAAGATTGTTTCAAGGCCTCTTGAGCACTCACAAAGCAGTACATTTAAAAGCAAAA
CTGTCCTCAATAGGGACTGGTAATTCTGGGGAACATAATTCAGATTTTGCAAACGAAGGCTGGTTATATTGCTT
GAAGAAAGGACAGGCAAGAACACCAAAACTACCCCATTTTGATTGGACAGGGACTCTAAGGCCATATCCCAT
ATCAAGCAAGCGTGAAGTACCTCCTCACATTGATCGGCCGGATTGGGCAGATGATGGAATTCAAAAAATTGA
GCCAAATAGTGACTTCCAACATGTTGTTGAGATCAAAAAACCTGATCAAATTGAAAAAATGAGGGAGGTTGG
CAGGATTTCAAGGGAAGTTTTAGATGCAGCTGCTAGAGTGATTGGCCAGGTATAACTACTGATGAAATTGAC
CGTGTGGTTCATGAAGCAACGATCGCTGCAGGTGGATATCCATCTCCACTCAATTATCATTTCTTTCCCAAGTC
TTGCTGCACTTCTGTTAATGAAGTGATTTGTCATGGCATTCTGATGCACGGAACTAGAGGATGGTGATATT
GTAAATGTGGATGTGACCGTGTACTATAAAGGGTATCATGGTGACCTCAATGAGACATATTTTGTGGAGAAG
TTGATGAAGAGTCCCGACGTTTAGTCCAGTGTACTTATGAGTGCTTGGAGAAAGCTATAGCCATGGTGAAACC
TGGAGTCAGATTCGTTGATGTTGGAGAAGTTATTAACCGTCATGCTTCAATGTCAGGCTTGTCTGTGGTCAGG
TCATATTGTGGGCATGGCATTGGGGAGCTCTTTCATTGTGCCCTAATATTCCCATTTATGGAAGAAACAAAGC
AGTTGGTGTGATGAAAGCAGGGCAGACCTTACCATCGAACCAATGATCAACGCAGGCGTATGGCGTGATCG
GATGTGGCCTGATGGGTGGACTGCTGTTACTGCTGATGGCAAACGAAGCGCTCAGTTTGA

>trans_s_781 AY365248|Cucumis sativus 60S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

CTCTGCTCCGGCCGTCTTCGTGTCTCTCATCCTCTCACTCTACTTCAGGTCGCAGCTTCAGAGATGGCTTTCGCG
AAGGCTCAAAAGACGAAGGCATACTTTAAACGGTATCAGGTTAAATTCAAGAGAAGAAGAGAGGGCAAGAC
TGATTATAGGGCTAGGATTCGCCTCATTAACCAAGATAAGAACAAGTACAACACTCCCAAATACCGTTTTGTTA
TTAGATTTACCAATAAGGATATTACAGCACAAATAGTGTCTCTAGCATTGCTGGTGACATGGTTCCTTGCTTCT
GCTTATTCTCATGAGCTGCCACATTATGGTCTTGAAGTTGGTCAGACAAATTATGCTGCAGCCTACTGTACCGG
ACTTCTATTGGCTCGCCGTGTCTTGAAGAAGCTTGAGATGGATGATGAGTACGAGGGTAATCTTGAGGCTACT
GGAGAGGATTACTCCGTGGAACCCACAGATAGCCGAAGGCCTTTCAGAGCCCTCCTTGACGTAGGTCTAGTTC
GAACAACTACGGGAAATCGTGTTTTTGGTGCCCTCAAGGGAGCTTTAGACGGTGGTTTTGGATGTTCCACACAG
TGTTAAGAGGTTTGCTGGCTTCTCAAAGGGTAACAATGAGCTCAATGCTGATGTTTCGAAAATACATTTTTG
GAGGTCACGTTGCTGCCTATATGCGGACCTTGATGGAGGACGAACCGGAGAAGTATCAAACCTCAATTCAGTG
ATTACATCAAGAAAGGGATTGAGCCTGACAACATCGAAGAGTTGTTGAAAAAAGTTCATTCTGCAATCCGTGC
AGAACCATTGGCAAAGACGACTGAGAAGCAACCACCAAGACCCACAAGAGGTATAACTGAAGAAGCTTAC
ATACGAACAAAGGAAGGCCAAGTTGGTCGAGCGTTTGAATGCATTGAATTCTGCTGCTGGAGCTGACGATGA
TGAAGACGACGAAGAGTGATTCAACTAGCCTTGCTGGAATCACAACACAACTGTATTTCAACCAATTCTATC
AGTACCAACCATTTAGCTTATGTGAGAATATCCATATATTATATTTTTTTCAGTCTCCCCGAGGCGATTTTGCAG
CTTTTTTTTTTAATCAAAATTTCTTAGTGTTTTCTTGATTTTTGATGGCCATAGTTCTAGTTTCAAATTCAAAT
GAAATTCTGGATAAAATGAAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_782 HM747959|Solanum lycopersicum beta-amylase (BAM1) mRNA, complete cds

AAGCGTTGAAAAGCGCCGGAGTTGAGGGGATCATGATGGATGTGTAGTGGGGATTGGTGGAGAGAGACTCG
CCTGGTTTCGTACAACCTGGGGAGGCTATACAGAGCTTTAGAAATGGCTAAAAAGCACGGCCTCAAAGTCCAA
GCCGCCATGTCCTTCCATCAATGTGGCGGAAACGTTGGTGACTCTGTCACTATTCCTTACCTAAATGGGCAGT
GGAAGAGATGGATAAAGATCCAGACCTTGCGTATACCGATCAATGGGGGAGAAGGAATTATGAATACATATC
ATTGGGATGCGACACCTTCCTGTTCTTAAAGGCCGAACGCCTGTCCAGTGTTACGCAGACTTCATGCGCGCTT
TCAAGGACAATTTCAAGCACCTTCTGGTGACACCATTGTGGAAATCCAAGTGGGAATGGGCCAGCTGGTGA

GCTCCGTTATCCATCCTACCCTGAGCAAAATGGAACATGGAGATTTCCAGGAATTGGAGCCTTCCAATGCTTTG
ATAAGTACATGCTGAGTAGTCTAAAAGCTGCTGCTGAAGCTTCCGGTAAACCTGAATGGGGCAGCACAGGTC
CAACAGATGCCGGAGGCTACAATAACTGGCCAGAAGACACCCCATTTTTCCGGAAGACGGTGGTGGCTGGA
ACTCGACATACGGCGAATTCTTCCTTACCTGGTACTCCCAAATGCTGTTAGACCACGGCGAGAGAATCCTCACA
GCAGCCACCTCAACTTTTGAGAACACCGGTGTCAAGATATCAGTGAAGATCGCTGGAATCCATTGGCATTACG
GCCACCGCTCACATGCCCCAGAGCTCACTGCAGGCTACTACAACACACGGTACCGCGATGGATATCTCCCAAT
TGCTCGTATGCTAGCTCGCCATGGTGCAATCTTCAACTTTACTTGCATCGAGATGCGCGACCACGAGCAACCAC
AGGATGCCCTTTGTGCCCCGAGAAGCTGGTCCGGCAGGTAGCTCAAGCCACCCACAAAGCACAAGTCCCTCT
TGCGGGGGAAAATGCTCTGCCTAGATACGATGAATTTGCCACGAACAGATCCTGCAAGCTTCGTCTTTTCATT
GGGGATGAGGATTCAGAGGAAAGTGAAATGTGTGCTTTCACATATCTGAGAATGAACCCTCACTTGTTTGAG
GCAGAGAACTGGAGAAGATTTGTGGCATTGTCAAGAAGATGAAGGAAGGGAAGAACCCGGAT

>trans_s_783 NM_116724|Arabidopsis thaliana DER2.2 (DERLIN-2.2) (DER2.2) mRNA, complete
cds

GTTTTCTTTCGCCGTCTTCTCCTCCAATTTTCTTCTTCCGACTTTGCGGATCTCTTCCCTGCTGGGATTTGCG
CGGAGAATCTCTTTCGCTCCGAGCTCCGGTCTTCTTCAAGCTTATAAACATTACCCCTTCTTCGTCTTCGATCT
TCACCTGACGTTTTTTTCTTATAGGGGATCATTTCTTCTGAGATTCGATGGCTCAAGCCGTTGAAGAATGGT
ACAAGCAAATGCCTATTATCACCCGTTCTATCTCACCGCTGCTATCGTTACCACAATTGGTTGTTCTCTTGATA
TTATCTCTCCGCATCATCTTACTTGAACCTATCCTTGTGGCCAAGAAGTATCAGTTCTGGCGTCTCATTACCA
ACTTCTTGTTCTTCCGTAAAATGGATTTGGATTTTTGTTTCACATGTTTTTTCTTGCTCGATACTGCAAACCTCT
GGAAGAAAACCTTTTTAGGGGAAGGACAGCTGATTTCTTTATATGCTCTTATTTGGGGCCACGGTGTGACT
GGAATTGTTTTGGTTGGGGGAATGATACCTTACTTGTCTGAGTCAATTGCCGAAGTTATATTCCTTAGCAACTC
TCTGACGTTTATGATGGTTTATGTGTGGAGCAAACAAACCCATTATCCATATGAGCTTTTTAGGCCTCTTTAC
TTTACGGCAGCTTACCTGCCATGGGTTCTATTAGGATTCTCTGTAATTGTGCGGGCCAGTGTGGGTGGATC
TACTGGGTATGGTTGCTGGCCACGCATATTATTTCTTGAAGATGTGTACCCACGAATGACAGGTGCTCGACC
ATTGAAAACCCCATCCTTTATCAAGGCTTTATTTGCCGATGAAGCTGTTGTAGTGGCACGACCTGCGGATTTGA
GATTTGCAGCCCCTGCTGCCGAGGATATTCATCAAGATTAGTTTGTTAGACACTTGAACAGATCTAGTGATATG
GAATTTTCATCTTTTGGGCATTATCCACCCTAGAAAGGAGCAACCCCTGATTGCAAGAAATTGTAATTTCTT
CTGTAACATAGCATAACCAATTCTGGCTTTATTTCTCCCCCTCTTTTTGGTATTGCGTTTGTGAGATAGTGAAT
TGAATCTCAATTTCAATTCATTGCAATTGGAATTTCTTGATTCAATATTATGCAAATGAACAAGCAATTTCTTCGT
GATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_784 NM_119521|Arabidopsis thaliana DRP3A (DYNAMIN-RELATED PROTEIN 3A); GTP
binding / GTPase/ phosphoinositide binding (DRP3A) mRNA, complete cds

AATCATGCATTTCTGGTTAACCATACCAAGCAGGAGATGCACAATGTCTTCATAAAAAAACTTTATAGGTAAC
TAAGATTTGTAATTATTCTTTCTGTAAAGTACATGAGATGCATATCTTCAGGTTTTGATCATATCCCAATTCTTT
GATTTCAATGTGGGAAAATAGAGAAAACCTGTTTGAAGAGATGTTGCAGGAGCCCGATGAGGTGGCAATGA
AGAGGAAGCACACACGAGAAACCCTCCGAGTTCTACAGCAGGCTTTTCGGACATTGGATGAATTGCCTTTGGA
AGCGGAGTCGGTCGAGAGAGGTGATGATCCGACCGGATTACCGAAAATGCATGGAATGCCAACATCATCCAT
GTATTCTACCACCAGTTCGAATGATTCAATCTCCCCTTCTCCCAAGAATCCCAAGCCGCGAAAGTCATCATATTC
GGGGGAGCTTCAGGTGCCGGTATACGGCAATTCAGATTCTAATGGGAATGGTCGATCATTCATGCCAGCCTT
TATCCAAAACCTTGATCTATAATAACTCTCCATGTGCATAGCCAGTCCAAAATGAACATTGAGCCAATCACATCA
TTTGTTTTGGAGTCCAACAAGTGGAGCTAATGGAATTCCTTAGTCTCCAACAAGACGTTCTCTGTGAGATGCT
TTTTATTATTCCAGCAGATTCTTTCGAAGTCGACCATTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCTCATCT

CCCTATCCTGTATCGGTCTTGATGGTATAGCGTATGTAGCTTTGGGAAGAACAAGAAAAATAATGGGGAGCA
GTCAGCAGTACATTAACCTATTCACTCCTCACCTCTCCTCTCCTCTTGTTGGTTTGTGATAAAAGTTAGCC
AGTTTTGGTTTAAAAAAGATGGCTAGTTTTTGAATTATACATCATGAGACTTGAAAATTGAATTGGCAGGT
GTATCTTTGTTTAGTTTAGTTTAGTTTATAGTTTTTTGTTTGTCTTTTGTAGCCGTATTATCAATCAATTATAT
ATTTTGAGGTTGAGATTGAATGTTTTAGTCTGTTTATATGAAAGTTGTAAGAGATATTCTTAGTTGTACCATAT
GCCATCGAGAATTAACCTTAAAGGCAGCTGACCAGGTAGCCTGTGGCCCATAGTTTTTTTTTTAATTAATTATT
ATATGCGCCAAAAA

>trans_s_785 NM_001063219|Oryza sativa Japonica Group Os06g0129800 (Os06g0129800)
mRNA, complete cds

AATCGGAAGAATTCCCAGCGGTCTTCGTCGGCGGCGGCGATTGAGTCTACACTCCGGTTTTCAACTCCGACGC
AGGGCTGCAAATTTGATTATCGAGGGAAAAGGCGAGATGGGAGGCAAAGGAATGCGGAGGAGAGAGCGGA
ATTACAGAGCTGCTCATGGCGGCTACGATCGTCTCCCGCCGCCCTGACACTCCCAAGCCGATACTTTACCT
TCTAAACTCCGCAAGTTAATGTCCTTTACTTCTCTCGATCTCAAGAGTCTGAGGTCTCTGAAGATCTTCAGCGA
AAGCGCAAGAGAGATGCCTTTAATACTGAAAAGAAATCCAATCAAAAGGATGCTTCGGGAAGATCCGATGTA
AAGAGCAAAGCTAATGGTGGGAATTCTCAAATGCCTCAACGTACGGGTAGTGATATTGACGATGTGCAAAGC
AAGTCCAGTGAGAAGAAAAACAAAAACGAAAGAGAAAGCAAGTTACTGACCTTCGTTTTGAAGACTCTTTG
GAGGAATCAAGTCGACGTTTAAAGAAACGCGAACGTGCGAAAAAATATCAGGAGGCGAAGAAAAACAAACA
TAAAAAAGCCAAGACGGAGGAGGTTCTAGACTTCCCAAGACATGAAAAATAAAATTTGGAGACGTGGTTGA
AGCTCCACTGAAGTTGCTTGCAGTTCGGAAGGCATTTAAATCTGCACAAGTTGCTTCTCAAGAGAGGAAGCGG
TTGCAGGCTATAAATGAGTATAGAAACCGCAAGGGGTGGACTTCAAGGCCAGGGATACAAATACCCTCAATG
ACTATAGCACCAGCTGATTAATTCAGCAGATTTTGTTCATTAGGAGGCCATAAGCTGGCAGTGGAATGGGAA
TCTCTCTCTAATCAAGTACAGGAGAGTTATCAGAATGTGGTCTAAAAGAGATGATTTGTTCTAAAAATTACC
AAGCATTCAACTGAGAAATCAAACCCAAGATTCTCAAATCTTATCAGAAACAGGTTGTGTGATGAAAGCTGT
TATAACCATCTTCTGCTCGTTGTTTCTTTGTATGAGAATAATAGTCTAGTCTTGTGGTGAAGTTTATGGTTCCA
GTTTAATTAGGATGAGAATGCTTTCTTTTGGTTCAATTATAATTGATGTTTTGTTGTAGAGAGTAAGTTTGTAT
CAGCTTTATTTCTATACTAAGTTTTTATTTGTTTTAAAAA

>trans_s_786 HQ616704|Citrus lanatus chloroplast Rieske-type iron-sulfur protein (PetC) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ACCCACATTTTAGATTTCTGAGAAAATTTCCCCTCCACTCCTTGCTCTGATCCATCCATGGCGTCTTCCACTCTAT
CTCCTGCAACCCCATCACAGTTATGTGCGAGCAGAAGTGCTTTGTTCTGTCCGTCTCAAGCCCTTTTGAGGAAA
CCCAAAATACTCAAATGGGGGCAAAGGGAAAGGAGATTAATTTCTTGTCAGCTACTAGTATTCCAGCTG
ATCGAGTCCCGGATATGGGTAAAAGGAAGACTATGAATTTGCTTCTTTGGGTGCCATTGGACTTCCACTGC
TACTATGTTGTATCCTTACACCTATTTCTTTGTTCTCTGGTACTGGAGGTGCTGGTGGTGGGGTTGTTGCCAA
GGATGCTCTTGGAATGATGTTTTTGAGATGAATGGCTGAAGGCACATGGCCCTGGAGACCGAACCTCAC
ACAAGGCTTGAAGGGAGATCTACCTACCTTGATAGAGAGAGGATAAAACGCTTGCACATTTGGAATCAA
TGCAGTCTGCACTCACCTTGGATGCGTTGTGCCATGGAATGCAGCTGAGAACAATTCATCTGCCCTTGCCAC
GGATCCCAATACAACGATCAAGGCAGGGTTGTTAGAGGACCTGCACCTCTGTCTCTTGCACTGGTTCATGCTG
ATGTAGACGATGGAAAGGTAGTGTTCTGACCGTGGGTTGAAACCGATTTCAGAACTGGCGAGAATCCATGGT
GGGCTTAAGCTTCTTCTCATGTAACTCCCTCAATTTGAAGCAATTTTTTTCTTCAATCTCCATCTCAGTTTT
CTCCTGTTTGTATATTTGATTTGTTGGATGAAATATGTAAATACAAGACAATTGAATCCTAGGCTATGCATT
GATAAGCTTTGATATTAATACCTCTCTCCCTGTTCTACTTAAAAA
AAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAACCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCCCCCCCC
CCCCCCCCCAAAAAATTATTTAACCCCCCCCCCTTGGGGGGGGCCCCCACCAAAACCCCCCAATTAGCAA
ATTTAATCCCCCGCCCCAGGCCCTTTTAAACAAACGGGGAAGAAAAAAA

>trans_s_787 DQ914795 | Cucumis melo xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 2 (XTH2)
mRNA, complete cds

GGAAATCTCAGCGGTGATCCTTATACTCTTCATACTAATGTTTACACCCAAGGCAAAGGCGACAGAGAACAAC
AATTTACCTTTGGTTTGATCCTACCTCTGATTCCACACCTATTCAATCCTCTGGAATCCCCAAGGAATCATGT
AAGAATCAAACCAATCAATTGATTGATCGTCTTTAACATGGTATCATACCCTTAAAAACAGAACTAAAAATTTAT
GTTTTTTTACGTGCGAATGACTTGAATCTTATATCTAACATTTTGAACGCCAAGAAGATAAAAAATAGTATTGTT
AAATTTTGACTTGAAAAAGAAAAACAGAGTATTGCTATGTTTTGTTATGTTATTTGCGGTTTTGACTAGTTTAA
AAAATCTAATCTGTTACATAAATTATAGAATTCTTGAATAATCACTTTAATAATAAACTGTTCTTAACGCCGGT
AAATCTGTGTATCAATTAACCTTTCAGTGGTCTGTTTGGTGTCCATGGATAACCATTTGTGTATTGGTTGGTTTCG
ACAGATTCTCGGTAGATGGAACACCGATCAGAGAGTTCAAGAACCACGAATCCTCGGGCGTTCTGTTTCCAAA
AAACCAACCGATGAGACTGTACTCGAGTCTATGGAACGCGGACGACTGGGCGACAAGAGGAGGGCTAGTGA
AGACAGATTGGTCAAAGCTCCATTCACAGCGTCGTACAGAACTTCAACGCCGACGTTTGTGTGTGGTCGGG
GGGAGTGTGTCGTGTTCTCAGGAGGGAATGTGGGGGGAAGAGGATGGCTGTGCGAAAATCTGGACATTA
CTCGACAACAAAGGATGAAGTGGGTTTCAGAGGAATTACATGATTTACAATTATTGTACTGACGCCAAGAGATT
CCCTCAAAGCTACCCTCCGGAGTGTGCAATTGCCCTTGAATTTGGTCATGCCCCACATTCTCCATTTGCCTTT
CTTTCCTTTGCTTTGCTTGCCGAACAAAATTTGGAAGGATAGATCATCTTTTAAACAATTAATTAATTAATTA
AATCACTAATAAAATTAATCATATAGTATTGTTGTATTATTGTATATAACAATATGTATATCTGGTTTTGCATGG
CTATATTGTCTACGTGGTTCTGTTTTTCTTCACTCCTATATTTGGGGAAAAAAATTAATAAAAAATAATAGTGA
GATGCCCTTTTCATCCAAAAA

>trans_s_788 AF034572 | Glycine max proteasome IOTA subunit mRNA, complete cds

GACTGAGCGGTTTTCTTGGCGAGAAAGCTTTTTCGCGGCTCCATCGTCTATATTCATATTCTTCGAGCTCTCCAT
TTCCCCCCCCACACACCCTAAACCCGTCGAAGCCCTAATTCATCCGAACTAGAAGCCATGAGCCGTGGAAGTG
GAGGAGGTTACGATCGTCACATTACTATTTTCTACCCGAGGGCCGCCTATTTCAAGTCGAATATGCTTTCAAG
GCTGTGAAATCTGCCGGAACCTCGATTGGTGTCAAAGGGAAGGATTTCGGTTTTCGTTGTGACTCAGAAG
AAGGTCCCTGACAACTTTTGATCAGACAAGTGTAACCTCACTTTTCTCCATTACTAAGTATCTGGGCTTGCTC
GCAACTGGCATTACAGCTGATGCAAGATCACTGGTTCAACAAGCAAGGAATGAAGCAGCGGATTTCCGTTTCC
GATATGGCTACGAGATGCCAGTGGATGTATTGGCTAAATGGATTGCTGATAAATCACAAGTCTACACCCAGCA
TGCCTATATGAGACCACTTGGAGTTGTGGCAATGGTTTTGGGGATTGATGATGAGTATGGACCTCGCCTTTAT
AAATGTGATCCTGCTGGTCATTTCTTTGGTCACAAGGCCACTAGTGCTGGACTTAAGGAGCAGGAGGCTATTA
ATTTCTTGAAAAGAAAATGAAGAATGATCCTGCTTTTACTTATGAGGAGACTGTGCAGACTGCAATTTCTGCT
CTTCAATCAGTGCTGCAAGAAGACTTCAAGGCCAATGAGATTGAGGTGGGAGTGGTTAGATCGGAGAATCCC
ATCTTCAGAGTGTTGACCACTGAAGAAAGTGATGAGCATTTGACTGCCATTAGTGAGCGAGATTGATCAACGT
GATTAGTATGAAGCTCCCTGGACAAGCATATCAACAACATCCACCGCCTTTGTTTCAGCAGTCGGTTATCAATG
CGTTGTGTGCTTTATATATTCAAGCTCTCGAGGTAGTATTTGCTTTTGAATCATTGTAGACATGGTGGTATTTCT
ATTTTGTTTTACCATTACCTCAAAGAACTCTCCTTTAGAATTTGTATTTTCATATTTTCAGAGGAACTCTCAGT
CGTGTTACATTATTTAACACATAGAACAAGTCTTTTGGCTATAAACATGATGGGAATTAGATTTTCAGAGACAG
AAAGGTTTCTGGATGGCCAAAAA

>trans_s_789 NM_001054418 | Oryza sativa Japonica Group Os02g0708400 (Os02g0708400)
mRNA, complete cds

CCGTTACGACGAGGCTGTTTTGCTTATCAGAAAGCCCTCACTGTTTTCAAAACCACCAAGGGAGAAAACCATC
CAGCAGTTGGTTCAGTATATGTTCTGCTGATTGTACAACAAGACTGGAAAAATGAGGGAGTCAGTATC
TACTGTGAAACGCCCTTCGAATTTATGAAAAGCCTGTCCCTGGGATTCTCCGGAGGAAATTGCTAGTGGT
CTTACTGATATTGCAGCTATCTATGAATCAATGAATGAAGTTGAGCAAGCAGTCAAATTATTACACAAGGCATT
GAAGATATATAATGATGCTCCGGGACAGCAAAACACCATTGCTGGAATAGAAGCCCAGATGGGTGCTTGTA
TTATATGCTGGGGAACATTCTGAATCTTACAACCTCTCAATAATGCAATTCCAAAGCTTCGCAACAGCGGAG
AGAAAAAATCTGCTTTCTTTGGTATAGCCCTTAATCAAATGGGGCTTGTGTGTGTTCAAAAAATATGCTATAAAC
GAAGCTGTGGAGTTATTTGAAGAAGCCAAGAGCATACTAGAGCAAGAATATGGACCTTATCATCCTGATACTC
TCGGGGTATATAGCAACCTTGCTGGAACATACGATGCAATTGGCAGGTTGGATGATGCAATTGAAATCTTGGA
GTATGTTGTTGGCATGCGAGAAGAAAACTTGGAACAGCCAATCCTGACGTTGATGATGAGAAGAGAAGATT
GTCCGAGTTGTTGAAAGAAGCTGGTAGAGTTCAAGCCGAAAGGCGAGATCACTCGAGACTCTTCTTGATGC
CAATGCTCATACTGTAAACAGTAAAGGAATTCAGGTTTGATAAAAAGATTAAATCACACAAGACCGACAATTG
TCGCCTAGTTTAGAACCGATTCTCACAACACGGCTAGTTGCGCTTGAGTAAATCCTGATTCTTTAGGTTGTT
GAAATTCAAATACTAGAGTTTGGCGTTTCGTTTGCAATTGTCGATTAAGTTATCTTGATTTGTGTATGAAGTTTG
TATTGTTCTGTATATTTTACACGTAAGCGATGGCGTTGTCATTTTGATATCACATTGTTCTGGAATTACAAGA
TTGTTTGAAGCAGTTTTGAATGAAAACACAAGGATGAGGTTCTGCTTTGTACCATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_790 AY074586|Arabidopsis thaliana AT3g53630/F4P12_330 mRNA, complete cds

AATATTTACCAATATAGATGATAATTCCTAATTGGAATAATTTGAATTGGAATCCTTTTATAATTTATCCTAATTT
CTCTTAAAGATGGATAAAGGAATATAAATGCAAAAACAAAGAAGAAGCAAAGCCCGTGGTTCATCTAAAACC
CCTCAAATTCATTCATAGAAACCCTCCTCGGCGATTTACAAGCTCGAACCAATTCATGGATTCCTTCAACAAC
AACGCCAATATGGACAACCTTTTCCTTCAAACCTCATGGCGAGGCTCCAAATTAGGCCTCCAGTCAACTACAA
CAACATCAACAATCCCCTTCTCTACAATCCCTTGAAGAACTTATCTTCGAGGCCGCAATCTCTCCGACGACG
ACAACGACGACAACAAAACACCGCTCGCTAAAGAAGAATCGAAGCTTGAAAAAGAGATCATTGCGGTGATTC
TCGCCGGAAATACTGATTCCCTAAAACCAATTCAGGCCAAGCCGTCACGGTCGGCGAGCACCACGTGTGCGT
GGGGTTTCACGAAGAGAAGGATTCCGATTTTCGAGTTTGGGAATGGCACGGTCATATTATGTTGTTTGATGAA
GAAAATGGATACTCGCCGAGTATATTTATGGGAATTACTTTGAGAGGCTTCAGAGGCAGGTGGTCAACCGT
GAGTTGAATAAATGGAAAGAGGAAGACGAGGAAGACGAGAAAGAAGAAGATGAAAAAGAGGAGAAGGTG
GGCGACTTGGGTCTTCGGGAGCTGATTGATGGCGGCGATTGAGTGTCGGTCGAATCTTCATCGTAATGTTA
ACCCCACTTCTCAAAGGAACAGGTTTTAATGAGCCGAGTTGCAGTCTTCGTTCAATATAATAAGTTCAGATAC
CTATGGACGCTGCTATGGACTATTGTCTTACAATTTGCACCTGGGTGTTTCTGCAGTTAGGACACTGAACTTGT
GTGTTCTGAAAAGTAAAGGAGACGAATACATAGAGTCAGCAACTTTTTCTGTTTGATGAGTTTCTTCCAT
CGTTTTTAATGAACATTTGTTCTTAGCTCTTACAAGTTCATTGTGCAAGGATTATTTGCCTGTTGCTTGATTTTC
CATTTTCATCTTTTGTTCATGAGAATTTACAAGATGTATTTCTCAATGGTTATAAATGCTATAATATTTAACT
TTGGATACATTTAATTAACAATCCTTACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_791 NM_115735|Arabidopsis thaliana vacuolar ATP synthase subunit D (VATD) / V-ATPase D subunit / vacuolar proton pump D subunit (VATPD) (AT3G58730) mRNA, complete cds

GTCTGATTATTGGCGAAATTTCTTCGGCTTCGGATCGGATCCCTCTGGAGAGTTGAGCAGAGTCTACAAAAT
CGCTGTCCATTTTGAATCTCGGTGATTGATTGTTCCGATCTATTCCATTTGTTTGCCGACGAATCTCCGGTCA
TTCCCTACTTCTCCGACAGCAGATATCGAAAAAGATGTGGGCCAAACCCAGCGTTTGAATGTGGTTCCGACA
GTTACAATGCTTGGAGCTATGAAAGCTCGTCTTGTTGGTGCAACAAGAGGTCATGCTCTCCTCAAGAAGAAGA
GTGATGCTTTGACTGTTGAGTTCCGTCAGATACTTAAGAAGATTGTTTCAGCCAAGGAGTCAATGGGAGATGT

CATGAAGACATCTGCATTTTCTCTCACCGAAGCAAAATATGTTGCTGGTGACAACATCAAGCATATTGTCCTGG
AGAATGTCCAAACTGCAGCTATCAAGATTCGATCTCGACAGGAGAATATTGCTGGTGTGAAACTCCCGAAATT
TGAACATTATTCTGATGGTGAGACCAAAAATGATCTCACAGAGTTAGCCAGAGGTGGTCAACAGATCCAGTTG
TGTCGGGGCGCCTATGTTAAAGCAATTGAGGTTCTTGTTGAGCTTGCTTCACTCCAGACATCATTTTTGACCCT
TGATGAGGCAATTAACCACAAATCGCAGGGTCAATGCTCTTGAGAATGTTGTGAAGCCAAGGATCGAGAA
TACTATAAGTTACATTAAGGGAGAATTGGACGAGCTGGAAAGGGAAGATTTCTTAGACTGAAAAAGATACA
GGGGTATAAGAGAAGGGAAATTGAGAGACAACGAGCCAACGCCAAGCTATTTGCTGAGGAACAACCTGCTG
AGAAGGTATCTTGCAAAAGGGTGTCTCATAAGTTCAGCTCACAATTTATTGTCTGCAGCCGCTGAGAAGGA
CGAGGATATTATTTTTGATTGTAAGGTTAGTTGTTTTTCAAATGCGTGGCTTCGTTTGCTTATCTATTGTC
AAAAATTTATTTGGTGAAGTATAGGTGGCTCAAGGAGTAATCTCAATAAAAAATTATAAGCTCTAGCCATAATGTAT
TTATTTGATTCTCCGTCACTTTCAAGGCTTCATGTCTTGTAACACTTCTTCACTTGACAGTCTTCACTTTTTTG
AGATAAAAAATATTTGTTGTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_792 GU001147|Panax ginseng cysteine proteinase inhibitor-like mRNA, complete
sequence

GATCGCTTCGTGGCGCAGTTACCTAGTTGGCACGAATCCCATTTTACGATCGTGGCGCCAAGAGAGGGGAGAG
AGCGATTCTCATTATCTCACCGCGAAGAAGTTTTTCAAAAATCGAAAGAGATGAAAGGAACTCTGAAAA
TCTCTCCTCTGTCATGAACAGCCATTCTCCACTTTGTCGTTGTTGTTGTTGCTGCTGTTTTTCTTGGATCATC
GTTCTTGACAGGTAACGCATCAGCTCACTTTGCGCTGAGCAGGACGATCCACTCCTTATGGCGTCCACACTTGG
AGGCGTTTTCGATTCTCAGGGAGCTTCCAACCTCCACCGATGTCGATGAACTCGCTCGTTTTGCCGTCGAGGAA
CACAACAAGAAAGAGAATTCATTCTCGAGTTTGTGAGAGTCGTGAAGGCGAAAGAGCAGGTAGTTGCTGGT
ACACTACACCATCTTACTGTTGAGGTGGTTGAGGCTGGTAAAAAGAAGCTGTATGAAGCTAAGGTTTGGGTG
AAGTCATGGATGAATTTAAAGAATTGCAAGAGTTAAGCATGCAGGCGATGTCCCCTCAATTTCTCCTTCTGA
TCTTGGTGCAAAAAAAGGTGATCATCCCCAGGGATGGCGTGAAGTGCCACCACATGATCCTCATGTTCCAGGAT
GCAGCACAGCATGCTCTCGAACGATCCAGCAGAGATCTAATTCTCTAGTCCCGTATGAACTGCTGGAGATCA
TTCATGCCAAAGCAGAGGTGATCGAAGATGCTGCGAAGTTTGATTGCTCCTAAAGCTGAAGAGAGGGGAGTA
AAGAAGAGAAGTTCAAAGTGAGGTCCACAAGAACAATGAAGGTAACCTCCTTCTAAATCAGATGGTGCAAG
ATCATTCTAAAGAGTTTGGATTGTTCAATATAATTAAATAAAATACAAGTTTATGTACGATAGAACCTTTAA
AGCTGTATACTTCATAACTTCTTTTGAAGCTCGAGTCGTCCGGCTGATGCATAAAAAGACCATGATAAATGATG
TAGCCACTATTTAATTAGGTTCTGGATCTGTGGTTTCCTTTCTTCTGTTTTCTTTAATCCTTTCTTGAATTGTATG
AACAACAAAACATAGGGATCGTGGGTATACTCTCGATTCTGGGTTTAACTATAATTTGTTTCGTATGAAGTGA
ACCTAGAAGGGTTTCTTAGGGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_793 XM_002871116|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein synthesis initiation factor
eIF2 alpha, mRNA

CTCCCAGGATTAGGTTTTCGTTTCTTGCAATCCCCTCGAGTTCCACCAGCTTTCGACAGCGTTTCTTCACTCGC
CGATTCTCCCTTTTCACTTGTGTCGATCTTCTCATCTCCCTCAACTCGCCGTTCTCTACCGTCGATCTCCCTCAC
GGCAGTTCTCTCATTGTAGTTCATCGATTTCCGGTGGTAGTGAGTACAAACACCAAAGAGCCTTCGACCATG
GCTTCCATTCCCCTAACCTCGAGTGTGGATGTACGAGGCAAAGTACCCAGAGGTGGATATGGCTGTCATGA
TTCAGGTCAAGAACATCGCCGATATGGGCGCCTACGTCTCCCTTCTGAATACAACAATATCGAGGGTATGATT
CTTTTCTCCGAGCTCTCTCGCCGTCGAATTCGTAGTGTCAGCAGCTTAATTAAGGTCGGCCGATCGAGCCCGT
CATGGTCCTTAGGGTTGACAAGGAGAAGGGATATATTGATTTGAGTAAGAGAAGGGTGTCTGAGGAGGATA
TTCAGGCCTGTGAGGAGAGGTATAACAAGAGCAAGCTCGTTCACTCTATAATGCGCCATGTTGCTGAAACTAT
GAACATTGATTTAGAGGACTTATATATCCATGTTGGATGGCCTTTGTACCGAAATATGGTCATGCTTTTGAGG

CATTCAAGATCATTGTAAGTACCCTGACTCAGTGTGAATTCTCTAACCCGTGAAGTCAAGGAAGCTGGTCCT
GATGGACAGGAGGAACTAAGATAGTTCCTGCAATGTCCGAGGATGTAAAAGATGCACTAATAAAAAATATT
AGAAGAAGAATGACTCCCCAACCCCTGAAGGTCCGAGCTGATATTGAGATGAAGTGTTTCAATTTGATGGTG
TTCTTCACATAAAGGAAGCAATGCGTAAAGCTGAAGCTGCTGGAAATGATGATTGTCCTGTTAAATTAATTT
GGTTGCTCCTCCACTCTACGTCCTTGCTACTCAGACACTTGACAAGGAGCAAGGAATCACTGTTCTTGAAAAAG
CAATTGCTGCTTGCACTGAGGCAATTGAGCATCACAAGGGAAAGCTTGTTGGTGAAGGAGACACCCAGAGCGG
TAAGTGAAAGAGATGACAAATTGCTTGCTGAGCACATGGCGAAGCTACGACAAGACAATGAAGAAATCAGTG
GAGATGAGGATAGTGAGGANGGAGGAAGACACAGGAATGGGGGGAAGTCGAT

>trans_s_794 AL161561|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 61

AGTGAGGGAGTCTTCTTCTAAACGATTGAGCGCGCAACCCCCCTCTCTCGCCACCGCGCAGCTTGCCGTC
GACAACGCGGCCGAAAACCCGAAGTCACCGATTCTCCCTTTGTCTCACCGATATTTCTCTTCTTATCGACC
ATCACCGTCCATTTATCGGAGTACGTTGACGCAATTTGCCACCGTCAAACCTCGAGGTGCGATCTGTCTCCCTCT
GCTAGTTGCTCTTCTCACAATCGTGCCATTCAAATCATCAAACGTCGATTTTTCGCTAAGTCTAGAAGTTT
GGTTGGAATTTGGATTGAGAAACCTGAAATGTCACCCTCTTCTACTCATCAATTCCATCAATATTCACCTGACC
AGAGAACGTTCTATGCACGAGGTGATAGTGAAGCTGGTGGCCATGGTAGCCAGGAATGCCTAGACCTTATG
CTGTGAATCAAGGAGATCCACATATGTGGCGTGGACCGAGAAGGCCATTTGTCAACCAGTTCCTACCCATCC
ACCGAGGGAGATGAACTCCTCCAGCCATGTATCTGGACCAAGAGGTAACCTTTACACCAATCCTACTCAAGAC
AGGGCTAAGTACCGTAGTTCTAGCCCTAACCCAGGGTTCCATGGCAGTTTAAGTCCAGGTAGAGGCAGCCAT
GGACATCATGGCAATATGACCCCTAGTCCAAGATTTGGCTATGGACGAGGTACTGGTTTTTCATGGTCGTCATT
CTTTATTGGACAAATCTGGACCAGAACAATTTTACAATGTCTCCATGCTTGAAGATCCCTGGAAGGTTCTGCAA
CCTTGTATCTGGACGACAATTGATTCATCGAGTAACTCTGCAAAACCTTCGGAATCTTGGATTTCCAAGTTTGG
TACAAAGAAAGCAAGAGTTTCAGATTCTCTTCTGGCAGGTCTAGCTCTCAACAACCTAGCCTTGCCGAGTACC
TGGCTGCCTCCTTCAAGGAAGCAATCGAGGATGCACCAAATGCATGAAACATTTTATTAGGCATTTTCATCCTT
ACAGTAGTACTTGAATTCAGCATTGTGCAAATCCCAGCCTAATTTTCTCTATAGACTGGTTTCATGTTGTAAAT
CTATAGTGATTATTATGACAGTTCTGTCTCTATGTTATGTTTAGTTAGTGACGTTCTTTATCTATCTTGTTAGGT
TATGTACATGGATTAAGCTTCTTTTAAATTTTGTGTCCTAAT

>trans_s_795 AB376095|Hevea brasiliensis tc mRNA for tocopherol cyclase, complete cds

CAAGGAAGTCGATCCAGAGGAGTTCAATAAAAAGGTAGTGGAAGGTTTTCAAGTGACTCCACTTTGGCATCA
AGGATTTATTCGCGATGATGGCAGGACAACTATTTGGAACTGTAAAACCTGCTCGTTGGGAATACAGTAGT
CGCCAGTTTATGGCTGGGGAAATGTTGGATCTAAGCAGAAGTCAACAGCTGGCTGGCTTGACGCTTTCCAG
TATTTGAACCTCATTGGCAAATATGCATGGCAGGCGGGCTATCTACAGGTTGGATTGAGTGGGAGGATGAAA
GGTTCGAGTTCGTAAATGCCCTTCATACTCTGAGAAGAATTGGGGTGGAGGATTTCCAGAAAATGGTTTTG
GGTTCAGTGTAATGTTTTGAAGGTGCTCGTGGAGAAGTAGCTCTTACTGCTGGGGGAGGGTTGAGACAAC
TCCCGGATTAACAGAAACCTTTGAAAATGCTGCATTGGTTGGAGTTCACTATGATGGAATTTTTATGAATTG
TGCCATGGAATGGGACTGTTAACTGGGAAATAAGTACTTGGGGCTATTGGTATATTGCTGCTGAAAATGAAAC
CCACAAGGTTGAATTAGAAGGAAAAACAGATGTGCCTGGTTCGCCCTTGCGTGCTCCTACATCAGAGTGTGGC
CTTGACACAGCTTGCAAGGATACATGTTTTGGTACATTGAAATTGCAATATGGGAACGGAGGTTTGATGGCA
GCAAGGGCAAGATTGTAAGTGTGACAAGCAACATGGCAGCACTGGAAGTTGGAGGAGGACCTTGGTTTA
ACACATGGAAGGGAGAACTACAACCCAGAAATTCTTAAGCGTGCTCTTACAACACCTATAGATGTGGATCG
AGCTTTTAACTTGCTTCCACTATTCAAACCCCGGGCTTGTAGCTGATGCACATCCATGCCTTGCGAATTCATA
TCGATTTTCATGTGAGTTTCGAGCAACCTTCGTGACATACAGACTAGTCCCTTGAACCTCCCCAACGCCTTGCAA
GGTACTGCTACTTGCTATGAAAGGGTTCAGCTCATTTTGAAGTGAAGAACATGTGACCGACCTTAACATTGAAT

AGTATATATAGTCATCAATTCTTGTGGAGCTTGAATAGTTTTTAGGACTAGGAGAACTAATTGCTGAGTATAG
CAAAATGAATCCCAATATTTACCAAATATAGTAACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_796 EU122163|Cucumis sativus cyclin D3-1 (CycD3-1) mRNA, complete cds

TCCTCTCTCTTTCTTTTCCCCCTTCTCTTCTCTTCTATCTTCTTCACTGTTTCCACTTCCGGCGGCCATGGA
CGCCCATTTAGCTTCCTTTTCTCTTTGAGTATTCTTTTCCAAGCTTTCATTCTATGGCAATGCATCGGTACGA
ACAAGCTGATGATGATGCTCAAACCCATTTGTTTCCACTCGATTCTTTGTTTGTGAGGAGGAGAAATGGGAG
GAAGAGGAAGATGAAGCTGATTTAGAACAACCCATCACACCCATTTGTTTTCTTGGGTTTTTGGAGGAAG
ATCTCTCTGGGGATGATGAACGCCTTCTCTCCATGTTGTCTAAAGAAACGGAGCAGCTAAAACAGACCAATCT
TGAGCTTGAAGCTTGTGATGGATCCCTCTGTTCTGCTGCTCGTTCTTCGGCTGTTCACTGGATGCTCAAAGT
TCAATCCCATTATGGCTTCTCAACTCTCACTGCCATTTTGGCTATTGCTTATTTTGACAGATTCCTCTTGAGCTTC
CATTTTAGGAGCGACAAGCCATGGATGAACCAACTTGTGGCTGTACTTGCCTCTCTTGGCGGCTAAACTGG
AGGAGATTCAAGTTCCTTACTCTTGGACCTTCAAGTAGAGGATGCCAAGTATGTATTTGAGGCTAAAACCAT
CAGAGAATGGAGCTTCTAGTGCTCTCAACTCTTCAATGGAGGATGCATTTAGTGACTCCATATTCTTTCTTGA
TCACATTGTGAAAAGGCTTGGGTTGAAGAACGATCTTCACTTGGAGTTTTTCAGGCGTTCTGAGTACCTTCTCC
TTTCTCTACTTTTCAAGTTTGTGGGGTATCTTCCATCTGGCTTGGCAACTGCAACAATGATGGAAGTG
ATAGATCAGATTGAACCTCATAAGAAATTAGAGCACCAAGATAAGCTTCTGGGTGTCTCAAATGAACAAGG
AAAAAGTGCAATGCTGTTACAATCTTGTGTGGAGCATTCAAAGACTTATGTGCGATGGCTTTTATCATCCTATC
AACACCCACAAGCGCAAGCATGAACAACAAGCTCTGATAGCCCAAATGGCGTGATTGATGCAGGTTTCAGTT
CAGACAGTTCACGATTTCATGGGCATTATAGCAACATCTGTTTGTTCATCTCCTGAACCTTCTTCAAAAAAG
CAATCTGAACAGCCAAAGATGAAGATTCATTCTCTTA

>trans_s_797 EF424250|Zea mays monofunctional aspartate kinase 1 (AK1) mRNA, complete cds

ATTGGGAAGGGGTGGTAGTGATTTGACTGCTACAACCATTGGCAAAGCACTTGGATTGCGGGAGATTCAGGT
GTGGAAAGATGTTGATGGTGTGTTTACTTGTGACCTAATATCCATTCAGGTGCAGAACCTGTTCCCTTTTTGA
CTTTTGACGAGGCAGCTGAACCTGCTTATTTTGGAGCTCAGGTCTGCATCCACAATCGATGCGACCAGCTAG
GGAGGGTGATATTCCTGTTCCGGGTGAAAACTCGTATAATCTCAAGCTCCAGGTACTCTCATCACCCGGAAC
AGAGATATGAGCAAGGCAGTGCTAACAAGTATTGTTCTGAAACGCAATGTGACCATGTTGGATATTGTTAGCA
CCCGCATGCTCGGTCAATATGGTTTTCTTGCCAGGGTGTGTTGCTATCTTTGAGGATTTGGGCATATCAGTTGAT
GTGGTTGCTACTAGCGAAGTCAGTTTATCCTTGACCTTGATCCATCAAAGCTTTGGAGCAGAGAGCTCATTCA
GCAGGAGCTTGATCATGTGGTTGAAGAACTCGAGAAAATTGCTGTTGTGAAACTGCTTCAGCATAGATCGATC
ATTTCTCTCATAGGAAATGTTCAAAGGTCATCACTGATACTGGAAAAGGCATTCCATGTTCTTCGTACCAATGG
AGTAAATGTTCAAATGATATCCCAGGGTGCTTCCAAGGTCAATATCTCATTGATTGTAAACGACAACGAAGCA
GAGCAATGCGTTCCGGCTCTCCATTCGGCGTTTTTTGAGATTGATGGACTCAAATTAGATACAGGAGGATGCA
CATCTCAAATGGTTTCACTCTCAGCTAGCAACTGCGTAGGCATTGTAGCCCATTTTTCCCGTCTCAAGAAGG
AGCCAACTGCAGCAATCGGTATAATATTATATTATTGTCAAATCGGGCAACTCGAGTTAGTCTCTTCTATTGG
TTTTGATTAGATAAACTGTGCTGCTATTAGTGAGTATTTTATAACTAATTCAGGAAAAAGAACAAAAGAAAAT
TAGGATTTATGTTTCATGGTGTACACTAAAGTTTCGTAAATGTTTTATGTGCATTGTTATGTCCTAGTTCATCTG
TTGAGTTTATATATGTGAACATAATAAATAAATAACGTGCACGAGTTATAACTTACAATAATCTATTTTTCTA
GGTGAATCTTTAAAGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_798 NM_001048742|Oryza sativa Japonica Group Os01g0180400 (Os01g0180400)
mRNA, complete cds

CTTCTTTGAAATCTTATTCTTTGCCAAGCAATTATACAATCTCGTCACTTTCCAAAGCCAAAATTCCAAGCTCCA
ATTCCGGAGCCACAGATAGTGTCTGTGGCAATGGAGAATTTTCTGCTTTAGAATCTGAACCGCCCTTTGAAAA
AATGCATCATTTTTGTCAAATGCTGCCAGCTTTTCTCCTCCGGTATCGACTTGAACCAATTCTGATCCAAGT
ACTGAAAAATTTTCCACTGGAAAAGTAATAACACCATCTTCCAATGATTAACAATAGCCCTCAAAGGGAAAAATC
TTTGCCAATCAAATCCTGTTCTTGCCTATTACTATTGGCTCAAGCAATGCTTATGTAGGCTCACTTACTGCTAG
AGAAATAGAACTTTCCGAGGACTATACCTGCATAATTTCTCATGGTCCAAACCCAAAGACAACACACATTTTTG
GTGACTGTATTTTGGAGTGTACACACAGATGAAAACATCGGTTCCAGTACGATGGAAGAGCCTGGGACCGAAT
CATCTCTGTTAGGAAGCTGCCCTGAAGGGTTTGGTCACGGAGTTGTGGATGCAAATTTGCAAATCTGTTACTC
ATGCAAGAAAGTTTTGAAAGAAGAGCATGATATTTATTTATGCAGGGATGGAAAAGCTTTTTGTAGTTCACAG
TGCAGCTCTCAGGAGATTTTTGGAGAACATAAAATCAACAAAACCTTCCAAAGATGATAGTGAAAGCTCTGCAG
CGTCAAGCTACCATGAGGAAGATCTCTTCATCATGGGTCTCCATTTGCTTTATGACAGTGAGTTATAGTTTCC
TTTCAAATCCTCCACTTGGCGTGGTCGGTGAGATGACACAACAAGAAGAGGAGAGCTTTTGTTTATAGTTTC
TTTTCAAACCCTCCCACTTGGCCATGGATGATCGCGCGGAGTTTACAGTTTTTTATTTTTTCTTTTCCGATTTT
CTGCTTTCATGGTATTGGTGAGTGTGGAGTATAAAGATGAGAGCTTTTGTTTCCCTCTTCTTTGGGCAGAA
TATAGATATGATCTTATATCTGTTTTTGCTTGCTATTGAAGATTTTGATCCCATCTTTGTTAATCTTGAGATCA
TTTTGATGTTGTATCTCAAAGGCTTTTGTTGACTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGGA
TTTGTGTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_799 AB099931|Malus x domestica Md-H1 mRNA for histone 1, partial cds

ATCGCAACGAAATTACGAGTAACATATCAAATAGCTTATCTTTCTTTCTTAAGATCCCAAATTTTCATTTGAT
AATCTTCTTCTCCCTAATCCATTTCAATTCTTCCGTTTTTCAACCCTAATTCCACTTCTATTGTTGGATTGA
TCTTGTCTTCTACTCCAATGGCTACTGAGGAACCGGTGGTGCCGGTGGAGTCTGCGGCAGAGCCGACTAACGCT
GAACAAGCGGAGGAAAATCCGCCGAACAAAGCTGCCAAGTCTAAGAAGTCGAAAGAACCTAAAGAGAAGAA
ACCTGCTGCTCCTAGGAAACCTAGGAATCCTCCAATCATCCTCCATATGAAGAGATGATTAAGGATGCAATT
GTTACGTTGAAGGAAAGGACTGGTTCGAGTCAGTACGCGATCACTAAGTTTATTGAAGAGAAGCAAAAGCAA
CTTCCATCTAACTTTAAGAAGCTTTTGTTATTCCATTTGAAGAACTTGTGGCTTCCGGGAAGTTGGTGAAGGT
TAAGAGTTCGTTCAAGCTTAAACCGGCGAAGTCGGCAGTTGTGAAGCCTGCTTCTCCTGCGAAGAAGAAGCCT
GTAGCTGCTAAGCCGAAGTCTAAGCTGTAGCTAAGCCCAAAGCTGTGGCAAAATCTCCTGCGAAGCCGAAA
GCTGCTGCAAAGCCGAAGCCTAAGACGACTGCCAAACCCAAAGCTGCTCCTAAACCCAAAGCTGCTCCACCCA
AGTCAAAGAGCAGTGCTGTGGCGAAGCCCAAAGCTGCGGCGAAGACTAAAGCCGCTCCCAAGCCGAAAGCC
AAGGAAAAGCCTGCGAAGGCTGCTAGAACTTCGACAAGAACCTCACCAGGAAGGAAGGCACCAGCTCCAAA
ACCGGTAGTGAAAAAGGCACCGGCGGCGAAGAAGGCTCCATCAAAAAGCGTTAAAGCAAAGAAAGTGAAAT
CGCTGGCGAAAAAGGCTCCTTCTAAAAGAGGAAGCAAAGGGAGGTAGATTCTGGCGGCGGTTCTGTCAATCC
GTAATCCTTCTGGGTGTATAGACCCTTACATGCCGTGCTATAGAGGAGCTTACCTTTTGAATTTTTTCTTTTA
TTTGTTAATTTGTAGAACTTTTTTTTTCTCCCCAAGTTGATGTATCACTCAGCTTAGTTATTAATGGAAATTCAGT
AATCAATTAGGATTGTTGATTTTCAAGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_800 XM_002323988|Populus trichocarpa oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family
protein, mRNA

AATCAACTCAAACCCATTTATTTTTATTTCTTTTTCTTTTCTTTCTCGTAAACGGAAGAACCCTTGAATCGTT
GAATTCTTTTTCTTGTTCAATTCATTTCTCCGATTTGATATCGGAGAAACAATCATGGATTCTCGACCATTCCTC
GCATTTTCTCTGCTTCTCTCCGTCTTACCGCCTTCGCTCGCTTGCCGGAAACGCGTATGCTCAAGCACTCC
TACAAGCAATCAACTGGATCTGTGCTTCGATTGAAGACGGATTCATCTCCGCTCATTTTTCGATCCAACACGAGT
CACTCAGCTCTCTTGGCAACCCAGGGCATTTTTGTATAAGGGATTTTTATCTGATGAGGAATGTGATCACCTAA

TTGATCTGGCTAAGGATAAATTAGAGAAGTCAATGGTAGCAGATAATGAGTCTGGTAAAAGTGTAAGTAGTG
AAGTCCGAACGAGTTCTGGCATGTTCTTCGGAAGGCCAGGATAAAATTGTTGCTGGCGTTGAAGCTAGGAT
AGCTGCATGGACACTTCTTCAGCAGAAAATGGAGAATCCATTCAAATTCCTACTATGAGAATGGTCAAAAG
TATGAACCACATTTTGATTTTTTTCACGACAAGGTGAATCAGGAGTTAGGTGGCCACCGCATAGCCACAGTCTT
GATGTATTTATCCAATGTTGAAAAGGGTGGAGAAACCATCTTCTAATTCAGAGTTTAAAGAATCTCAAGAA
AAAGATGACAGCTGGTCTGATTGTTCTCGAAAGGGTTATGCAGTTAAAGCGCAGAAGGGCGATGCGTTGTTG
TTCTTCAGCCTACATCTCGACGCAACGACAGATGAAAGAAGTTTGCATGGTAGTTGCCCCGTAATTGAAGGCG
AGAAATGGTCTGCAACCAAATGGATTCATGTGAGATCCTTTGAGAAGCTACCTCGTGAAGTAGGCAGGATTG
CGTGGACGAGAACGAAAATTGCCCGGCATGGGCAAAAAGGGGAGAGTGCAAAAAGAACCCTACTTACATGG
TGGGTTCTGAAGGTGCTTTAGGATACTGTAGGAAGAGTTGCAAAGCATGCTAAAACCCAAACCCTAGGAGGA
GGAAGAAGAAGTAATCGCCATATCTCTCTTTCTTTTCTGTTTTGGTGAGCTTGAGTGTGATTTTGTAAATGGCT
ATGTATATAACATTGGGCAGCAACTTGTTATTATAATACTATATACAA

>trans_s_801 NM_120049|Arabidopsis thaliana dihydrouridine synthase family protein
(AT4G38890) mRNA, complete cds

ATGGGATGCCCAATTGATATTGTTGTGAATAAAGGTGCTGGATCAGCTCTTCTTACAAAGCCAATGCGAATGA
AAACTGTTGTAGAAGCAGCTTCGGGAATTGTGGATACACCTATAACAATTAAGGTTTCGGACAGGCTACTATGA
AGGGAAAAACCGTATCGATTGCTTATTGCAGATATTGGTAACTGGGGAGCAAGTGCTGTAACCTATTCATGGT
CGGACTCGTCAGCAACGATACAGCAAGCTTGCTGACTGGGAATACATTAATCGGTGTTCTCATTAGCTCCTG
ATTCTCTGCAAGTTATAGGAAACGGGGACGTATTTTCATATGCAGATTGGAATCAACACAAGGATGAATGCC
AAAGTTAGCCACATGCATGATCGCTAGAGGAGCACTAATTAAGCCTTGTTATTTACTGAAATTAAGGAACAG
AGAAATTGGGACATCACTTCAGGGGAGCGGCTAAACATCTTGAAGGATTTTGTTCATTTTGGACTTGAGCATT
GGGGATCCGACTCCAAAGGTGTTGAGACGACAAGACATTTCTTATTGGAATGGCTTAGCTACACATGTACATA
TATTCCTGTTGGTCTTCTGGAAGTTGTTCCCAACGTCTAACTGGCGACCACCATCCTATTTTCGGTCGTGACG
ACCTTGAGACGCTCATGTCCTCTGACTCTGCAGCTGACTGGATTAAGATCTCAGAGATGTTGCTTGGTAAAGTT
CCTGATGGCTTCTCGTTGCTCCGAAACACAAGTCCAACGCCTATGATCGAGCCGAAAATGGCTAATACACAG
AATTCATCACCGTAAGGATATGAGATCGCTGCAATGCTGTTCTTGGTGCCAGCAAGGCCTTGCTGCCTACATC
GCCAAGTTTAGTTAGCGGTTGAAGAGTTGACTTAGATTTTTCCACAAATTATTTATATATTTATGTTCTGATTA
CGTCATAAATCTGATGCAGTAAGTAAAAAAAAAAGAAACAAAAAAGAAAGAAAAGATAAATCTTTTGTGCTG
CCCTTTCTGCTGATTATTAATTTATTATTGTTGTTTTATTTGATAAACTAGGTTTCTAGTCATCATTTTTATTA
GTACATTTATTTTGTAGCAAAGGAAACAGAAATGAGCATGTTTTCTAGTTGCATAGGTTAGAGACGAGAGTTT
GGCAAATTAACATTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_802 NM_001036118|Arabidopsis thaliana SR33; RNA binding / protein binding (SR33)
mRNA, complete cds

ATCGAATATTTCAATTTATCTTCTGAGCCCTAATTTCTTCTTTCTCTGCCGCCGATTCACTCCCTCTTCAAGCTCC
AGCGAGATTCTTAGACAGCGGGCCTTTGTCTTCAGTTGCTGTTCAAATGAGGGGCAGGAGTTATACTCCATCG
CCGCCAAGGGGTTATGGAAGAAGGGGTCGTAGCCCTAGCCCTAGGGGGCGCTATGTGGGACGTGGGAGAG
ACCTTCCTACTAGCCTTCTAGTTGTAATCTTAGCCATGACTGCAGGCCTGAGGATCTTCGTAGACCATTGGA
CAGTTTGGTGCTATTAAGGACATATACCTACCGAAGGATTATTATACTGGAGAACCACGAGGTTTTGGTTTTGT
TCAATATGTGGATCCTGCTGATGCTGCAGATGCTAAACACCATATGGATGGCTGTGTTCTTCTTGGTCGGGAG
TTGACTGTGGTATTTGCTGAGGAAAACAGGAAGAAACCATCTGATATGAGGGCAAGAGAGAGAGGAAGTGG
GCGATTTTCATGATCGAAGAAGATCTCCTCTGCGGTATTCTCGTTCACCTCGATATTCACGTTCCCCGGCTCAAC
GGCGTGGGAGGTATTCTCGTTCACCAGCTCCACGCCATGCAAGGTCTAGGTCTCGTAGTTATGATTATGCATC

TCCACCACCAAAACAAAGGGCTTACTCAAGATCAGTGTCCCCTCGTGACAGACCAGACAGTCGAGAGAGGTCT
TTCCACGACAGGAGAGCCGTGGAAGATCGTACTCCCGATCTCCACGTCTAGACGGTTCAAGGAGTAGGAGT
GATAGTCCAACACGAGGTGCAAGTCCAAGCCCTGTAAGAGGACGAAGCCTAAGTAGGAGCAGGAGTAGGAG
CAAAAGTGTTAGCCGGAGCCGGAGCCGTAGTCCCCAACATAGTCCAAGACATGAAGAAGAGTATAGAAGTGA
GCCGAATGGTGATCGGAGCCCAGGTCAATAGGCAAGCAGTTCAAACCTGGGAAACTACAATTTACTATTGCCA
CTGTTTAATTTGATGTTTCCGCTATAGACATCATTTCTTAGTATTGTTGGCTAGCGTTTATTGTTCTTGGGAATTT
GTGCTTTATCAAAAATTGATTGTTGAGTACTTTTTATTTTTATGCTGTCTTTCGTGTGTTGCGATTGACACTTTACT
ATTTTCTTTTTGAGCTCGTTTTTTATATAGTTTGCTTTTGTATGCCACATAT

>trans_s_803 NM_124631|Arabidopsis thaliana OVA6 (OVULE ABORTION 6); ATP binding /
aminoacyl-tRNA ligase/ nucleotide binding / proline-tRNA ligase (OVA6) mRNA, complete cds

CAGCCACAACCTAGGGCAAACTTTTCTCGTGCTTTTGGGGTGTGATTCACAGATGAAAATGGACAAAGACAA
CATGTATGGCAGACATCATGGGCAATTAGTACACGTTTTGTTGGAGGAATTATCATGACTCATGGAGATGATG
GAGGTTTAATGCTGCCACCAAAGCTTGCTCCAATACAGGTGGTAATCATACCCATATGGAAGAAGGATGGTG
ATAAAGCTGAAGTTCTTAATGCTGCTTCTTCTGTAAAAGAATTTCTGCAAACCTGCAGGGTTAAAGGTTAAACTT
GATGAGTCAGACCAGAAAACCTGCAGGATGGAAATTCAATTTTTGGGAGATGAAGGGTGTTCCTTTGAGGATC
GAGATTGGGCCCAAGGATGTTGCAAGTAAAAGTGTGGTCATATCTTGAGAGATATTCCTGGAAAGCAAGGG
AAAGTTTTTGAATATCCATGGAACCTTCTGTTTTAGAAGCTTATGTGAAAGAGACATTGGATGAGATCCAATC
ATCTCTTCTTCAACAGGCAAGAACTTTTCGTGACAGTAACATTGTGGATGTGAGTTCATATAATGAACCTAAAG
AGGCAATCTCCGACGGAAAATGGGCTAAGGGTCCTTGGTCAGCTAGTGACCAAGATGAATTGAGAGTTAAAG
AAGAAACAGGAGCAACAATTAGGTGTTTTCTTTTGAACAGCCACAAGGCCTAAAACATGCCTTATGACTGG
TAACCCTGCCGAGGAAGTTGCCATTTTTGCAAACCTTCTACTGAGATATATATATCAAGGCATGCCGTAAAATCT
CCAAGGGCCTTCAATCACATTCGTGCACTATCTTAAAGGTCATGATAAATATTTTTGGGAGGAGGAGCCTTCCA
AATCAGTTCTTCTAAGGGAAAGGCTCTAGCTAGTTGGTCCGATTGGCATTGTCTTTTGAAGTTTGACATGTT
TTTGTTCTCAGCCTGCCTAATTATTTTCTGTTGGCTCAATCTTTCATTTTTGGAGCCCTATTTAAGTGATCCACT
TATTTATGAACTAAATGGATTGACAATCTTGTTAAAGCATCACTTAATTTCTGTCTTTCATTTTCATAACATGACAT
GAGCTTGTTCCATTTTTACGATGTTTCATCTGTGAAGTCTAATGTATTATATTGAATATTTAACCCCTCAGAA
ATTTTGCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_804 EF185416|Citrus sinensis ethylene-responsive element-binding protein (EREBP)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTAAATTTCTATTTTCCCTTCTCGCCGGAGATCAATCTCTTTTCAGTGATTCATGTTTTTCTCCGAT
GGGCAGAGAAGGAAAAGGGAAAGGAAAATTGAAACCAAAAAGGTCTTCTTTTCTTTTAGATTCAATTTGAG
ATCTTTTCAGGGATAGATATTATTGTTGCGGTATATTTTTTGAAGATGGGAGCTGAGAACACCTCGAAAACGA
CCCCGAAAGTGGAGATTGGAACAAGAAGTACGAAACCCAGGTGGTGTGTAACGTTTATGATCTCACCCCTG
CCAACAATTATTCCTATTGGTTTGGTTTTGGGATTTTTCATTCGGGTATTGAAGTCCATGGCAAAGAATATGGG
TTCGGAGCTCACGACTTTCCTGCTAGTGGAGTTTTTGAAGTAGAACCAAGAGCTGTCCGGGTTTCATATACC
GATGTTCTGTACGTTGGGACATGTTGATATGCCTCCCTCTGAATTCAGAACGTTTATTGAAACTATTGCTTCTG
AATATCATGGAGATACATATCATCTTATTTCCAAGAACTGTAATCATTTTCACAGATGATGTCGCATGTAGATTG
ACTGGGAAAAGGATACCTGGATGGGTTAATCGGCTTGCTCGGATGGGTGCTTTGTGCAGTTGTTTGCTTCCTG
AAAGTCTTCAAGTAACTACGGTCAAACAATTGCCCGAGTTCCACGAATACTCAGAGGAAGAATGCATCTCCGA
GTCTCTGTCACTCAGCACTCGGCAAGTGTCCGCAGAAGTCGATGACGATGAGGAGAGGCGGCTGCTGACACT
ATCGCCTGGGGCTACCGACGTTGCTTTTGTCAAAGAATCTCACAACCTGAAGGAGCAGGCAGACAGTCTCTTTT
ATTGCTTACAAATCTCATCCAAGCGCTCTATAAACCTGTCTCGATTGCAAAAGTAATATCTGTTTCGCTCTTTT

GTATCAAATGGTTGGAAATAGATTGTTTGTTCATTAAAGTAGCTGTTGATACTTCGAGCTTTAATCGACCCA
GGAAAGTCTAGAGATCAATTTGTATGTTGTTTCATTTCCATATCCTTAGAAATGATGAGACTTTTGTCTCAGTTT
GCAAAACAATTCTTAGATATTGAGTTTCTATATCATATTATATCACAAATTGTTACTTAGTATTATGCTATAAC
ACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_805 AF124369|Nicotiana tabacum NT3 mRNA, complete cds

AAAGAGAGAAATCCCAACAAAATTCGACGCGGGCGGCCGCGGAGTCTTCTTCGTCTTCTCGCGCCCTGAGCTT
AGTAAATCCGAAACTCAAAACCTCTATTGTTCTGTCGTGGTGACAATGGCGGCTAACACAATAATGGGGATAT
CCTAATGCTCGAAGCTCCACCGCAGCCATCTCAACCAGCTTGGCGCGTTTCTGCAGATGCGGAGGTTATCGAC
GCTTTGCCCTACATTGACGACGACTATGCCGACCCAAGGGTCAAAGCAGAGGTGCGATCGTTGGTCGAGGAA
GAGATGCGGCGTAGCTCCAAACGACCCGCCGACTTTCTCAAAGACTTGCCTCCTCTTCTAAGTTAAAATTCGA
GGATCATCCGATGCTTGCTAGAGAGTACGAGCGTGTAAGAGCTGGGAGGCCTCCAGTCCCTCTTGATGTTGCA
AGATATAAATTAGAGACACCACCTCCAAATAAAAAGAATGACGAAACTGCTTGGAAGCAGACACTTCAGAAA
GCTCAATGCTTGCTCCGTCATCAAGTGCTGAGGCTGGAAAATTTGGATCTGATGTCAAATATGGCCCTGATA
TCTGGAAGCAACACAACAACAACTGGAAGCACTTCTATCAAGAATGCAAAAATTAGCTCAGGAACAGAATG
AGAAGATTGAAAAAGTGAACCGTGAAAGGAAATTCATCAACAAACGCTGCATATGAGCTTCATGCTCTGTC
CACGCAATGGAAGGAGCTTTGTGAGAAAAATATGGAAATCCAAGTGGCATGCTTCAATTAGAGGGTCAAAT
CCAGGAATTAAGGAGAGAAGCAGCAGAAAAGGGCTGGAATTTGGAAGTCAATGTAGAAAATGGTTCTGTTTC
CCTTCCAGTATCATAAGGGGAGCGTCTTAACCATGGTTTTTGCTACTCAAAGTAAAGACTCCCAACGTCTTTT
GTTGCCGTTATGATATGCCTACATGGAAGATGAGTTAGATTTCTGCTTATTATAAGAGGTTGGTTGCTTTTCTT
GGCTCCAAAGTTCGTGTCAATTTTCAAATTTTATATTGAATTGATTTGTATCTGTACCTTTAGTGAAGTAATTTG
AAAACACCTACTTCTGCTAACCGTGTTACTTGGTTACTCTTCGACTTGAATATAGATTATTGTGTAAAAAATATT
TAACCCAGACTATCTATCAAATGGTTAATATTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_806 NM_115257|Arabidopsis thaliana proteasome inhibitor-related (AT3G53970) mRNA, complete cds

TCCGTCGGAATTCAATTCAATTCAATTCTAGAACAACAGAGAATCTTCAAACCAACACAAAAATGGTGAACGA
GCAATCGGTTATGGCCGTCATCAGGGCAACTAGGGCTAGCTTTCGCAACGATTACGACAAGGTCGCTTTTGCC
GTTACGCCACATTTCTCGCTTCCGGCTTTGTGCTGACTGCCACCGGACCTTCTGCTTTTACTGAGGCCGCCTTT
TCTTCTCCTTCTACCGATGAAGTTAGTATCGAGGGCTGGAACGACTTAGAGGACGAATATGCATACATTTACG
CCAACCTTGAAAAGGATTCTAATTGGAAGAAAGTGATTGTCAAGTGCTTGGTCATGAATGGGAAATTGCTTGT
TGATGTCTTGACTGATAAGAATTCGGAGCCACTACATCTTGAAATTGACGTTGAAGAAATCGTCAATCCGAAT
GGGGGAAGTAACTATACAACGCAGTACAGAAATTTGGATAAACTGGTGAAACGCTTGGACTTGGAAATATTG
TCTAAATTAGATGGTTCTTCAAAGCTTTGACAAGTAATCCTGGAAGGGCTGAGAGTAGTGAAAGATCATCTG
GAGTTGTAAATGAGCCTTCTTCTGGAATCCCTGAGACTCATAGCCCTCCTTCAAATATGCCTCTTTATGGAATTC
CTGAGCGTCCTGGTCCAATGATTCATCCTTCCGGAGTTGTAATTCCTCTATTAATCCCTTGGGTGGTGGTGA
TCTTTTCCCTGGACCTGGTGCTGGAATGTACCCTGCTAGAGGTGGCTTTAGCGGCGATGGAAGCATGCTTTTA
GGACCTAATGATCCGAGATGGTTTGAATTTGGTAGAGGACCTGGTTTTCAAGGCGGGCAGCCGGGTGTGCCT
CCAGGTGCTCGTTTTGATCCATATGGTCCACCTGATGTTCTGGATTTGAGCCAAATCGGTTTGTTAGAAATCC
CAGAAGACCAGGAGGAGGGACTCATCCCACCTGGAGCATTTTGGAGGTGGTTCCGATTTTCATATAGTCAGC
TGATGTTATAAAGCATCTGAAAGTTAGAAGGTTAGGGAAAGACAGTGAAGTCTCCTCCCTTAAGTTATTTCTCT
TCTTCTTCTTCTTCTTCTTTTTTTAATGTTTTTGGTGGCCTGTAATGACTGTATAGTACTATTGTGAATATGGAA
ATGGTGTTTACTGAGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_807 DQ902864|Glycine max transcription factor MYBJ7 mRNA, complete cds

>trans_s_808 NM_115178|Arabidopsis thaliana catalytic/ glutamate-ammonia ligase (AT3G53180)
mRNA, complete cds

>trans_s_809 NM_128088|Arabidopsis thaliana carbohydrate binding (AT2G25310) mRNA, complete cds

GGATCGGAGGGAGTAAATTAGTTCTCCGTCCATTCTTGTGCTTTTCCTAATCACTCCGCAAGGAACATAAGA
ACCGCGAGATCTTTCCTTTCCGAAGCGTCCGCCATAGCAGAATCTTCCAAATGCGTTCCTCAAGTTTCTTTCT
CTTGCTTCTCTCCAATTATTCTTCTCTGTAACTTCGTCCCATGCTATTCTCTGGGTCCGCGCATGGATAC
ACCATCTATGGTCGTGTGAAGATTCCAAGCAACACACTTAAGGATTTGGACTTCCTGGAAAAACATCAAACA

TTAAAGTCATACTTAATGGTGGCCAAAGAGTAACCTTCTTGAGGCCCGATGGATATTTTTCATTCTATAATGTG
CCAGCCGGAACCCATCTGATTGAAGTGGCTGCATTGGGTATTCTTTCTCCCGTTCGAGTTGATGTGAGTGC
CAGAAACCCAGGTAAGGTTTCAGGCAGCCCAAAGTGAACAGGCGGGTGTGAGTGAGCTTGTTTTAGAGCC
TTTAAGGGATGAAGAGTATTATGAGGTTTCGAGAACCTTTCAACATAATGTCTGTTGTGAAAAGTCCTATGGGT
CTGATGGTAGGATTCATGGTAATTGTTGTATTCTGATGCCCAAGTTAATGGAGAACATAGACCCTGAAGAAA
TGAGAAGAGCACAAGAAGAAATGAGGAACCAAGGCGTCCCAACTCTATCAAGCTTGCTACCCGGGGCTGGCC
GGAGCAGTTAAAAGGACCAATTTTCGATATCAATTACATCTCCAGCTCAGATGCATCTAACTTCTGCGGAAAGC
ACTCAGAATTTCTAACAGTTGAAGCAAATGAGCCTAATCATCTTTTTGTCTGGTGACCCGTGCTTCATTTTGAT
TTTGATAGTCGTATCTATTAGACATTACTTTGGTCTGCATTTCAATTATTATTTTAAGGAGTCCCTGAGCTATATA
AACGTTTCATCTTCTATGTTACCCAATTGGGACTAAACATCATTTTGATAATACTTCTCATTTCCACATCCCCCTC
CCCTCCCCCAATTGCTTTGTGTGTGTGTGTTTACCTATTATATTGTTTGTGTGCAGGATTTCTTTGTTGTGAA
ATTGTGTTAATAGGTTTATGTTTGATCTCTTCAATGTCAGTGACTTTTAGGGATTTGAAGGATTCTACTAACT
TGAATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_810 AF386951|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F17L21.8) mRNA, complete cds

ACATTTAGCTTCCTCGATCGTCGGTACGGATAATTCTGCTCTCTCCTTTATTTTGCTTCTCTGCATCCAAACAAA
ACTTAATCCGAGAAAACCTCCATTCAACTGGAACCTCGGATTCCTCTCCCCTGATACCATTTTCAGTTTTACACAC
ACAAACACAATCACACACACACACACACCCACTTTCCTTTTAATTCTTCTTCTTGGAATCTAACCTTTGTCTT
TCAATCACTGTTTCGTACTTATCCACTTCTCAACGCCACCCCTGTTTTTCTCCCAAGTCTTTTCATTTCCCTCGCT
TCCAGCCGTCATCGGAGGGTGGTTTCGTTTTGATTTTGAGTCTTCAATTCTGGGTGTTTTTGTGTTTGTGAAAT
ATGGCCCAACAAGATCCTCGATCTGGGGTTTTCCATGAGATTTCTCTCTGCTTTTGAAGTTCTACGATCGCC
GCCTCTCCCGTGCCCTTCTCCGATCATGTTTTGGAATTGTCTTCTGTTATTTCTTCGTCGTCCTCGAGAATTTG
CCTTCTTCTCAGATGACCCAGCTGGATTTGCGGCTTGTCTTTGGGGATTTCTTTGGCTTTGATGCTTTGTGGA
TCGGTTACTTTCTTCTTGGCTTCATGTTGATGCCTTGATTCTGTTTTGGTGATGATTTTTATGTGGTTGGCA
TTGTCTCTAGCCTCTCTGTGTTGGGTCGCTCTTTAATTTGTTGTTTTACAGCTCCAACGCCTCGGAAAGATTTTC
ACGGTTGGAAACAAATGTAAATATGAAGAAACCTTGTTCAACCAGACAGTTGATGAATTATTTACCAGAGGA
TGGAGTGCGCGGTGCCTACAGAAGAATCAGAGTAAAAATGCCCTTGTAATGAATGGTGCTGCCTCTAGAAA
TATATAGGCAAGAAGATGAAGTTGAATTGTTTACCACAGTTTGTTGTTTTTTAACTTGTTGGGTGTGACAAAT
TGTGTTAAGGATCTTCTACTTTTGAGACTGTTTTCAGTCCATTTCTCCATTGTTTTCTTCAAGTCTTTTGATCAT
ATATATGTAAGTCCACGATTTGAAATGCCTGTTAGGCAATCAATCAAAGAAAAAGAACAACGATATCGAAAC
TGACAGCTTCGTTGTTTATAATAAAAAAACACGCGCAAAAGGGCCGTCTTTAAAAAACCCGAAAAAGGCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_811 AY143908|Arabidopsis thaliana At2g45060/T14P1.13 mRNA, complete cds

ACCAAAACCCGGGGGCGGGGCTTAGTGGAACAAGTTTTTGAGATTTTGAATGGCGATGGATGCTGGATC
ATCGTCCTCCCAAGAAAACCAATCATCTCCTTCTATCACCATGAATCTTCTTCATCAAAACCTCAATCATTGGA
AGACTTAGCTAAGCCTTGGGCTGAATACGCTGCTCAACAGGCGCTGCTATACCAACGGGCTATCGACCACTCT
TTGGAGTCTGCCATCGAAGCCTCCAAATCTCGCCTTCTCAGATTTCGTTCCACCTCCTATCCTCATTTCCAGAAG
GCAATTGATTCTTTTGGGAGGCAAAGTCCGAACCTTGAGCTTATGAGAATTTAGTATTTGGAAAAATTAGAG
ATGGTATTCTTGTTGCTGCATCACATCCACTGATCAGTTGTGGAGTTGCAACTGGCATGGGTTTCTTAGTCTTT
AAAAAGCCCAGAAGTTTCTTATACTACAAAAGTTCGACTTTTCATGAATGAAGAGTCCTTACTTTCCAAAGC
TGATGCTAAAGTAAAAGAGTTGCGGCAGTCAATTGATCGGATAAAGGTTGAAAGTGAGAGGCTGGAGAAAA
GAACACTTCAAGCTGAAGAGGAATTGATACGAGGAAGAACAAAACCTCAGGCAAGCAGGAAAAACAAATTGAA
GGTGTGATTTCAGTCGGCTCATAAAATTGAAAGAAAGGCAAGAGGTTTAAAGATATTCTTGAGATCTTCCCA

>trans_s_812 AF124148|Glycine max trehalase 1 GMTRE1 mRNA, complete cds

>trans_s_813 XM_002303734|Populus trichocarpa SAUR family protein (SAUR1), mRNA

ATACAAACGCCATTTTCAATCAATCTAAGAAAATTCTTTCCCCCTTTTCTCTCAAATTCACTTTCATTTTCTTCAT
AAGTCTTCAAGAAATTTTCTTGTTTTTTTCTTGTTTTTTCATAATCATCTTCAATTAATTTTCTCCCCAAATTCAT
CGGAATTGATTTTTCGTTAATCACGATGAGTAACACAATGAGACCTAGGGTTAAGATCTTGTTCTATCTAGTAT
ACGATCGAGGTTAATTTCCATCAAATTCACAAAACCAAACCAATTTACGTTTAAATCATCTCGCTAAGTTCC
GATTCGAAGGATTTTTCGTTTCTGAAATTCGCTAGTTTCGTTTACATTTGATCCATGGATTTAAGTAGAGAGAA
AGTGAAGAACAAGGGATTGATCTTGAAAACCTGGGAGCGGTGCAAATCAATGGGCCGAGGGCAAGGAAATT
CACCGTCCTCCACCAGAATAAAACGATTCTTAACGAGGAAGACAAAAATCCTTGCTCGCTTGAGGTCTTCTCC
GGCGGAGAAGACGAGGACGAGAAGGAACGCCGCCGTTGCCGAAAACGGAGAGTTGCGCCGGAAGGGTGTT
TCACTGTGTACGTTCGGAGCAGAGAGGCAGAGATTCGTTATCAAAACAGAGTGTGCGAACCATCCTCTGTTCCG
ATCGCTGTTGGAGGAGGCGGAGGCGGAGTACGGATACAACGTCAAGCGCCGCTGTCGTTACCTTGCGATGT
TGAGAGTTTTTATAGCGTGTGATGGAGATGGATGACGACACCGCTTCTGATCTCCGCCGTGGATGTGGATAT
CCAACTCCGAAGAGATTTGGATATAATCTTCTCAGTCCACGATCTTCATCGCTGGTTGTAAATTAAGTCAGTTTC
CACTTCAGATTCTCTACCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTTTGAATTTAAAGTGGTTTTTAAATTTGTGT
TGGTTGGTGGTATTAGATCTTAGGATTATCTGTTGTTGTCNTGTTGCAAAGGTGGTTGTTATGAATGTGGTG
GTTTTTTTTGTTGCAAGGGTTTGTCTTTTAAAAACCGAACCATATCNCNAACCGAATCGATTTGGTTTTGATAA

ATCGATCGGTTCTGTTGTTTTAGCAAAATTATATACATGAAAAAGGTTGAAATTTATNTAAATTCGATTTAAACG
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTTGT

>trans_s_814 NM_001186514|Oryza sativa Japonica Group Os03g0374575 (Os03g0374575)
mRNA, complete cds

ATTTTAGTCCTTTAGTTTTGGACGCATCTGATCTACTTTACATATTTGTAAATATGTTTTATTGATGGTTGTTCC
TAGTGATTGCTTAATGGTGTGGAAATGGTCATCTGTTTTCAATTATTTGGTTTTCCAATAAACATACAATCTG
TTTATGGAGTTTGGTTGTTTTATTGAAAGTACTAGTGTTGAAGACAACCAATGAAGTAATAAGAGTATCTTGT
GGAAGACAAGAAGCAAGTAATTTGTTTATTGTGTTGAAGACATTCAGTAAGTTCTGATGACTTAATGTGTAC
ATGAAGATTCGGTGGAAAGTTGGGTTAGAGTACATTGAGAAGAAGTTCAAGTCTTGAAGAATTCATCTCAATT
TTTTCTTAGCCACTCATAAGGTTAGCATGGTGATGTTAATATTCTTGTAGAGCTCTCTGTCGATGTTTCTGT
CACTCGCAATCGATGGATTAATGATCAATGATGCCACTGGTTTAAGTGACATTTTCTGAAATTTTCTGAATCAG
TTAACATCCTTTGTTAAAAATTGTATTATGAACATTAATGTTTGTGACTGCAGAGAACCACGTGGTTTTGGA
TTCGTTCAAGTTGTTGATGCCGCTGATGCTGCTGATGCCAAGTATGAATTGGATGGCGAAGTTCTCCTGGGTC
ATGAACAACTGTTGTGTTTGTGAGGAGAACAGGAAGAGACCTGAAGAGATGAGAGCAAGAGACTCATCAA
GGGGTCGGTCTACAGTTACAGCCGCCGCGCATTACCGTTGCGATATTCACGATCACCGCACTATGATCGAAA
ATATTCACGTAGTCCTGAGTATTATCCCTGCACGGTCCAGACGATATTCAAGGTCGCTAGGGGCCGAGCA
TACAGGGAGCAATCCTACTTAAGGTCACCATATGATCCAAGGGGCCGAGTTACAGCCGAAGCAGGAGCCGT
AGCTATAGCCGAAGTTATTCTAGGTAAGTAAAGTACTTAATCGAAGTTTAAGAAGAAGCCAGCCAGCTGAT
GTTTCTGAAGACCCAGAACTATGATTTTAATTATGTTTGAATTTGGATTTCCGAGGCTTTTGTATATGTCTTC
TTAGAAAATTCTGTTTTAGAGATGACTGATTTTATGCTCTTAGTTGAACAAATTTATGAGCTTTATGGCTGTT
TTCTTCATGTAAATGAACTTTGGAATTTAGACTTTTCT

>trans_s_815 XM_002312672|Populus trichocarpa porin/voltage-dependent anion-selective
channel protein, mRNA

ATCGTTAAACACTTCCAAGGGCCAGCCTACACCACGATTTCTCTTTCTTCTCCTCACCATCGAACTTCATCAATCT
CGTCTTCCCGGAATACCCATGGGAAAAGGTCCAGGTCTTTACTCCGACATTGGCAAGAAAGCTAGAGATCTTC
TCTACAAGGATTACCAGAGCGACCATAAATTCACCGTCACTACTTACACTGCCGGTGGAGTTGCTATCAGTTCC
ACTGGAGTTAAGAAAGGTGACATATTTTTGGCAGATGTAAGCACTCAGCTAAAGAACAACAATATCACAAGTG
ATGTAAAAGTTGACACCCACTCCAATGTTCACTACTGTTACAATTGATGAACCAGCTCCAGGGTTGAAGAC
AATTTTCTAGCTTTCGTGTTCTGACCAGAGATCTGGCAAGGTTGAACTCCAATATCAACATGAATATGCTGGAA
TAAGCACTGGCATTGGTCTGACTGCCAGCCCCATTGTTAACTTCGCTGGTGTATTGGAAATGAGAACTCTCA
CTTGGAACAGATTTGTCAATTGACACTGCTTCAGGAAACATTACTAAATTGAATGCAGGCTTGAGTTACACTCA
CTCTGACCTTATTGCGGCACTTACCTTGAACGATAAAGGTGATGCTCTTACTGCATCCTACTACCACCTGGGTA
GCCATTGAGCAACACGGGCCGTGGGTGCGGAGCTGTGCGACAGCTTTTCTAGCAAAGAAAACACTCTCACTA
TAGGCACACAGCATGCTCTTGACCCCTGACTTCAGTGAAGGCACGAGTGAACAACATATGGTCGGGCAAGCG
CTCTAATCCAGCACGAATGGCGCCCAAAATCTTTGTTCAACATTTAGGAGAAGTCGACACACGGGCCATTGA
TAAGAGCGCAAAGATCGGTCTAGCCCTGGCTCTCAAGCCTTAGGGGGAGATCTGGGTCGTCCCTGGAGATTA
CCGTGGAGGGTAATAAGCTGTTTTTTTTTAATCTAGCGTAGACTTCTTTTTCTTCATATTTCAAATTTCCCT
TCCCAACTGGATCATTGATGTTTTCGGTATGTTTCAATTGGGTGCATCTGGTGGAGGGTATTAGGGTTGTG
AAAATAATTTGACTTCAACAATCAGTTTTCTTTGGCTGATGTGAACTTTGCGGTGGTGTCAAATTCATTGAA
ATCATTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_816 XM_002892087|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AAA-type ATPase family protein,
mRNA

ATACTCTAAAGGAATTGGTGATGCTTCCTTTACAAAGGCCCGAACTTTTCTGCAAGGGGCAATTGACTAAGCC
ATGCAAAGGCATTCTGTTATTTGGCCACCTGGAACAGGTAAGACGATGCTCGCAAAGCCGTTGCTACTGAA
GCTGGTGCAAATTTTATCAACATTTCCATGTCAAGCATTACATCAAAGTGGTTCGGTGAGGGTGAGAAGTATG
TAAAAGCTGTTTTCTCTAGCCAGTAAATTGCCCAAGTGTGTATTGTGATCAAGTTGACAGCATGTTG
GGTCGAAGAGAAAATCCAGGAGAACACGAGGCCATGCGAAAGATGAAAAATGAATTTATGGTGAAGTGGGA
TGGTTTGCGAACAAAGGACACAGAAAGGGTTCTGGTTCTTGACAGCCACGAACAGACCTTTTGACCTTGATGAA
GCTGTTATTCGAAGGCTTCCTCGTAGGTTGATGGTGAATTTGCCAGATGCTCCAAATAGAGCAAAGATACTTA
AAGTTATTTTGCCAAAGAAGATTTGTCTCCAGAATTTGATTTTGATTGCGTTGCTAGTATGACAGATGGATAC
TCTGGGAGTGACCTTAAGAATCTTTGTGTTGCTGCTGCTCACCGTCCAATTAAAGAGATATTGGAGAAGGAAA
AAAAGGAGCGTGCTGCGGCTCTCGCAGACGGCCGGCCTGTTCCAGCCCTTAGTGGAAGTGAGGATATTGGC
CTCTAAATATGGATGACTTTAAATATGCTCATGAACGGGTATGTGCTAGTGTTCGTCGGAGTCCGTAAACATG
ACCGAGCTGTTACAATGGAACGAGCTCTACGGTGAAGGGGGTTCTAGGCGAAAGAAGGCTCTAAGTTACTTC
ATGTAAGCTGATATTTGTACAAATCCTCGAGTCTCATTAAATTTGCGCGCTTCTTCAGACGCCAGTGCTCGCTCA
AATCTAATTTATAATGGGGGTCTATCCGGAAGCCAATTTCTCTAGTATGAAAATATAGGGTTTTGTAAGTCTTT
TTCTTTTTTTCTTCTTTTTGAAGTTAGTTGAGAATGATTGGTATAGGAATGGAAGCTGATCATAGTTTTGGT
CATCCGCGACTTGTGTTTTGTGCCATCAGTAAAAATGTATCCTAAATTTGGAACCTTATTTACTTGGAAGCAGA
GGAAAAGAATACCATGTTCTTACATTTTCCCTCTTATTCTTTGCTGG

>trans_s_817 BT021115|Arabidopsis thaliana At1g56440 mRNA, complete cds

ACTTTGAACGCAAGCTGTCGAGCATTTCTGCATACTCAATTGGAACAGCCTCATCACAAAATACTTCATCCCAA
ATCTTGAGGAGATCGAACTTTTCAGAGGATGAAAGACACATCATCAGTATGCTGAACCTCGGGACTTTGACTA
AATTTTCTAAAAAACTGATGGCCAAAGCCGGTTCTTCAGTGAAAAATGTAGCCACACACTTGACAATGTCTATT
AAAATTGGAGCGGTTAATGCATTTTTGAATATCTGAGGCAACTTGGCTGGAGAGATGGTCTTTAAAAGACAAG
CCTGCAATGCTTGATCATCAGAGAATCCTCTCCAAGAACTTCGAATTGATAGGCAGTAGTTGGGGCTATAAT
GTTTTTGCAGCTTCAACCATGCTTCTGGAAGCTGCTTGAGAAGCAAGTTCTTGCACTGATGCCTTCAGTTCCG
GCTTCTCGGAAGATGATCTCTCAACACGTTCTCGAGCTGCCAATAATCCAGTCCTTGATGTGCCGCTAGAG
ACAGGAGGGATGTCCTGAATTTTTGCATCAGAGTCTGATTTTTTAAGCATCTTCTTATCTTTGGGGGAGCTTCT
TGAAGCACCAGATGCCTTCTCAAGAATTGCCTTCCCAACAAAAGTCTGAGATCAGCATGCTGCTTCTTGATCTC
CTGGTTGTTAGGCTCCAATCTCTGGGCAAATTCAGCATCCTCCAAGGCCTCTTTAGCCTTCCCAAGTTCCTTCT
AGCTGTTGCTCTGCGCGAGTATGCTTTGATGTACCGATCATCTAAATTTAAGGCCTCTGTAAAGTCATCCTCAG
CCTCCTGAAATCTCCTGATTTTTAGGTAGGCCATAGCCCTATTTGCAAAGGCTACAGCTGTTGGGGACAAAGC
AATACTTCTTGAATAGCAGTCAATGGCTTCTTTGAACTTCTTTTGCTTAAATACTCATTACCCTGTTCTTTCTCT
GAAGCAGCATCAACAAAATCTGTTGAGTCTGAAAATTTCTTGATAGACGGTTAACCGCATCATATTGCTTCAA
GTAATCTGCTGCTGAAGCTTTTTCTGTCTGCCTTCTATCCTCTTTTCTTTTCCAATGGCCTGTGGCTTCAGTTTC
TTGTCTTTTCCCTTAAATGAGACTTCCCAATCCTGCAAGTCATTCAAAAATCCCTGGAAATCCAGAGGGTGATC
GCGGCCGTGCTTGCCGGAGGAATCGGCCATGGAAGA

>trans_s_818 NM_179721|Arabidopsis thaliana chaperone protein dnaJ-related (AT2G24395)
mRNA, complete cds

AGGGTTTCTTTGTAGCGGCAACGACGTTTTCTTTCATTTAGGGTTAATCTATCTTCCTCTTCTCGATCACTTCGA
AGGAGATCGCTAATTTTATGGGACTGGAGTTTGGCTCTTTGGCCAATTTTACATGCCTTAGAGATGAATGCGG
TTCCCTAAATCATCTCTTCAACCTCTTACCCATATTCGCAACGGTTCATTTTCTCCTTGTAATATCTTTGTTGA
GGCTGATACATGCATGATTCATCATTCTTCAACTCAAATCTCTTTCGCTCTATTCTTCTATTGTTTTTTTTTCTT
ATTTTGAATCGGTATTTAAATTCGATTTTGCTCCGAGTAGTAATTCAGGCAGCCCCTATGCAATTTTCATGGCAT

TGGAGGCGTTAACTGCTCGTAGATTGAATTGCTTATGCTCTTCAGACTTGCTGAGATTTCTTTGAAGCTGGT
CTAGTAAGCCTAAGTACATTTTTTTACGGTAACCGATTTTGGGTCGTTTTCTTGCTTGATTTCTGTCTCAGTGTT
CATTATTTGAGATCGTTTGGCTGATCAATGATCGAAAGCAGAATGACCGTGACGATGAAAGAAAACCATTCCTG
TTCTCTTGTTCAATTGTTAGCTCTGTTCCCGCTCCAACGGACACGATCGCTACAACCTTACGAAGATCAACCTC
GTCGGATTTTCTCCACCTCGATCCTCTACTTCTAGATCTTCCTTCAGTTCTGCTCGTTGCTCACCAATCCAGCAG
GTCCAGGTTGATTCAACAATTGAATGCGAACCTTGTAATGGTAAAGGATGGATAGTGTGTGATTTCTGTGAAG
GCCAGAAGACTAACGTGAAGGATGAGAACAATCGTATCTACCGACGCTGTCCGTCATGCCGAGCTGTTGGAT
ATGTTCTATGTTCAAAGTGCAAGGTTTTCAAGTGTTACTTTCCAACTTCAATGACGGTGACGATCTATCCT
TTTGAACCTTCTGTATCTCTCAATGATATGAAGTGATAGAGATCTTTCTTCAAAGAAATTCTGTTGGAAACGGC
TTCTTCTGATATTTCAATGCATTTTAGCATATCATTTTCATGGAAGGAGACTTCCATCGAGCGATGTGGTCATG
TCCTTGATTATATACAAATATAATATATAAATGAAGCAAGTGACAGCATCATTTGTTAATTAAGTTCGTA
AAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_819 GU345781|Cucumis sativus nitrate reductase mRNA, complete cds

ATATGGAACCTTATGGGAATCATGAACAACCTGTTGGTTCACAGTGAAAACCAACGTATGCAAACCTCACAAGG
GAGAAATCGGAATCATCTTCGAACACCCAACAGTTCCTGGCAACCAATCCGGTGGATGGATGGACAGAGAGC
GACATCTAAAATATCCACCGAATCAAACCAAACCTAAAGAAGAGTATCTCCACTCCATTCATGAACACTGCCT
CCAACACTTACTCCCTATCCGAAGTCAAAAAACACAACCTCCCTCAATCCGCCTGGATCATTGTCCACGGCCAT
GTGTACGATTGCACACGCTTCCTCAAAGACCACCCGCGGCTCCGACAGTATCTTAATCAACGCCGGTACCA
CTGCACGGAAGAGTTCGACGCCATCCACTCGGACAAAGCGAAGAAAATGCTGGAGGATTACCGAATCGGAG
AGTTGATCACCAACGGCTACGCTTCGACTCCTCTCAACTCCCCAAACAACCTCAACTCACGGAGCCTCCAAC
TTCTCCCATTTAGCGCCCATCCGAGAAGCCCCAGTGGTGACGAGACGCGTGGCACTGGCCCCTAACGAGAAA
ATACCCTGCAAGCTGATTTCCAAAACCGCAATCTCACACGATGTGCGTGTATTAGATTGAACTGCCCCGGCG
GTCAGGATCAGGTACTTGGGCTGCCCGTGGGCAAGCACATTTTCATATGCGCCAAAGTGGAGGGCAAGCTTT
ACATGAGAGCCTATACGCCCTCTACCACCGTAGACCAAATGGGCTACTTCGAATTGGTGGTCAAAGTGACTT
CAAAAACGTGCACCCCAAGTTCCTCAACGGGGGGATCATGTACAGTTTTTGGACAACATGGAAGTTGGCTCC
ACGGTGGAGGTTAAGGGTCCGTTGGGCCACATCGAATACACCGGAAGTGGAAACTTTACGGTCCATGGGAAA
CCCCGGTTCGCGAAGCGGCTTGCCATGCTGGCAGGTGGCACCGGAATCACTCCCATATATCAAGTCGTGCAG
GCGATTTTGAAGGACCCGGAGGACGAGACGGAGATGTTTGTGTGTATGCGAATCGGACGGGGGACGATAT
TTTGCTGAGGGAGGAATTGGACACGTGGGCGAAGAAGAACGAGAGACTGAAAGTATGGTACGTGGTGCGG
GAGAGTATTTACAGAAGGGTGGGAATATAGCATTGTGTTTATTACGGAGGAAAATAATGAG

>trans_s_820 NM_105529|Arabidopsis thaliana agenet domain-containing protein / bromo-
adjacent homology (BAH) domain-containing protein (AT1G68580) mRNA, complete cds

CACAGTCTTCAGGATGCTGATGATGAATCTACCAAGCTTGTGGAATGGCTTCAACATCAAAAGTTGCAGCTG
CTGATCAATTGGGTCTGCGCATCAATGGAAGATTGGTTATTCGTCCACATCCTAGTAAGGGTAGCAATGCTCC
CTTAATTTACAACGTTGGGGCAGTTGTTGATGTATGGCGGCATGATGGTTGGTGGGAAGGAATTATAGTTCA
GAAGGAATCTGATGACAAGTTCCGCATTTACTTGCCAGGTTTGTATCTCTTGAATGAAAAATGTTTTACATAA
AAAATCCTCTTCTCACTACCCATGTTCTCTCAATTCTGATAATTTGTTTGCACTTTGACATACGTACATTCAGGT
GAAAAGCAAGAATTGGTTCTTGGCTCAGACGATTTGAGGCATTCTCAAGAATGGTTAGGAAACCGGTGGATG
CATATGCAAGAAAGGCCAGATATCGCAATGTCAATTGTGTCTCGCATTTCAAATGATGGCCTTCCCGATAAGG
TGTAACCATGTCAAGCCAAGTTGCTCTTGTGAGCGGAAACAACCTGGGGAAGGTGGAAGTCAACCAAGTG
AACTTCGGTCTAACTATGTTGTTGACAAGGCTAAAGAATCATGCACGGTTCCAGATCTTTCCAAGGATGGTTTG
CTCACCAAATTGCGGTGGACAGGTTCAAGAAAAGAAGCCAACCCAGTAGCAGCAGTTCCGGGTAAATCCTTT

CCTTCCCCAATAGCTTCTTCCAGTCCTTGTGAAAGTAGTTTTATGATTCCAAGCTCAATGAAAATGGATCATGAT
AACTGCAAGTACATGGGGGATTCTTTGTTCAATTCATCAGTTGTGCCACCTCTCTCAAGCTTGGTAATGTCGAG
ATGATTTGATTTTGGGGGTAGGAGCTGCTGTGGGATTGTGCCTTTTTTTCTTTCCTTCTTTTGATCTTTTACTTT
GTTAACAAGTTCAATTGATTCTAGTTTTAATATAGAGTTGTGCATCTATTGGATGCTTTCCTTTGTATTTTATTTT
ATTTTTTCACTTTTAGCTAACCGCTGCTTTTGTAATTTGGTAGCTTAGAATGTTAACCGTAGGGGAATTCAGTCT
TGTGTCCAAATCTCTCTATCTTAATGCTATTTTATGTGTATATGAAAATATAACCTAACGGCATCGAAAAGCTCG
TCCTTCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_821 AY104747|Zea mays PCO066213 mRNA sequence

CAAAGATGAGGAAGATGTAGCTATGTCAGTTAAGAAGACCCAGCCGCATCCACAACAGCAACCACAACATCA
TCATGTCTCTAGTCAGGTTCCAAGTTTTCTAGTGGTTCCTTGCAAATGTTGAAATCAAGCCTCTGGTTCCTT
TCCGCAGTGGCCACATCAAGATTCTTTGAAAGATCAAATGCAGGTAACGTGTTGGGGCAGTATCTCGATGTA
AGGTTGTGCAAGGGCTTCAGGAACCCCTGAAATCTGAATATGCCATTATCACATGCGCGGGAACAGACCAAT
TTGTTTCTGAAGCAGCAGACAGATGGTGGGCATACAGCCTCCAAGCATATGAAAGGGACTACACAAACGAA
GCATTGAGCCGGCCTGAGCGCAAACAAAGCGAAGCATCTATGTACAACACTAGTAGAGCCCTCAAATGCCT
GATCATCAGCAAATGAATTCACTTTCTACAACCAATGCCATTAAGGAAATTAATGCAATGGGTGATGCTTCTTA
CTGTGAAGCCAGATTCATTGCCAATGATCCAAAGTACCCTGGAGGAATGAGAACTACTCTTCAGATAATAGCA
CCTGCTGTTTCAATCCCTTTCACCTCCAGTGGCAATCCATTGCATGTAAATGCATTTTGTATCAGCCAAAGGAT
GCTTTAAATCTCGATAAACCCGCACCAATACACAATCCAGTTTTTCAGTCGACCCCTCTCGAAAAGATCGTGC
CAGTCCTGTGAAGTGGGATTGCAATTGAGAACCACCATACGTCTGCAGGAGGGGAGTCTTTTAATAACTATAT
ATTATATCCACAGTAAAGAGTTACTCGAGATCTTGTCTGTCGTAGGTTTTGCTAGCGAGTTCTGCCATCGAA
CAATCAGTGCTAATATCCAAATGTTTCTTCAAATGTTTGGTCATTTTTTTTCCAGTAGCCAAATGTTTTTGAGA
TGCTTGTAGGCTTGTGCTGACTTACAGAAACCATCAAGCGATGACGAAAGCAGAGGGTGACGATACATTTTAC
CAGATGAAGAAGATACATACAATGGAGAATCAGAGAGAGGGGGGTCTGTTACTAGCCAAATCTAAAGCTATG
AAGAGAGTAGATAATATATATTGTACAAGTGGTTTTCGAAGAATAATCGTCTTGAACCTTTGACCAAAACACA
ATGGAACTGAGCTTTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_822 XM_002298954|Populus trichocarpa aquaporin, MIP family, NIP subfamily, mRNA

AATCTCCAACAATAATATTATATGGTTTGAGTTAATGTTAAAAATATACAGTAAACCTAAACTTGAGAAGA
AGATAAAAGAAAAGAAAAAAGAGTTGTTATATTATTGTACGATTAGAAGCCAATGGCACAATTTGAGATTAT
ACGCGTGGACTCCCCAAGCGCAGCCAAATCTTGATGTCTCTCTAACTCGAAAGGTGGCAGCAGAATTTGTG
GGGACGTTTCATCTTGATATTTGGTGAACAGCTGCACCCATCGTCAACCAAAAGTACAACTCCCCCATGTCACT
GATTGGAAACGCCGCATGTTCTGGCATAGCTGTGATGATCGTAATTTTCTCAATAGGACACATCTCTGGTGCCC
ACCTGAATCCGTCACTCACCATCGCCTTGGCCACCTCCGCCACTTCCCTTTGGCCCATGTCCCCGCCTACATCA
CCGCCCAGGTCTCTGCTTCCATCTGTGCCTCCTTCGCTCTTAAGGGCGTTTTTACCCTTCCATGTCTGGTGGTG
TCACGGTCCCGTCCATTGGTACCGCTCAAGCCTTGGCTCTTGAATTCCTCATCACCTTCAATCTCTGTTTGTCTG
CACCAGTGTTGCTACAGATACTCGAGCTGTTAGAGAGTTGGCCGGAATTGCAGTTGGAGCTACAGTGATGCTC
AACATTCTTATTGCAGGGCCATCCACTGGTGGTTCCATGAACCCAGTGAGGACCTTAGGCCCTGCAGTGGCTG
CTGGAAATTACAGAGAACTGTGGATATACTTGGTGGCTCCTACACTTGGGGCCATCGTTGGTGCCGGAACCTA
CACCGCCGTAAAGCACAAAGATGATGGAATTGATGTTCTGCCGGAGGAGAGGAGTTTCCATCAGTGATAATG
ATAGTGGTCGTTGCTATATGTTTCTGTTTTAATGTCCAGAGTACACGACCTTTTACTTTCATGTCAAATTAATTT
ATTGATTAATTAATAAAGCTTAATTGACGATCGAAAGTAATTTAATATCATTATATTATTAATGTATGAACCTTC
TTCGTTTAAAAAAAAAAACAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_823 NM_001050096|Oryza sativa Japonica Group Os01g0613300 (Os01g0613300)
mRNA, complete cds

>trans_s_824 XM_002323733|Populus trichocarpa kip-related cyclin-dependent kinase inhibitor 1 (KRP-1), mRNA

>trans s 825 XM 002866049|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATFIM1, mRNA

AAATTTTCATTGGTTAATGTGGCTGGAAACGACATCGTACAAGCAAACAAGAAGCTCATCCTTGCTTTCTTATG
GCAGTTAATGAGGTTCAATATTCTCCAACCTTTGAAGAATCTAAGATCTTACTCTCAAGTAAAAGAGATGACAG
ATGGTGACATCCTGAGGTGGGCGAACAGCAAAGTGGAGAGCACTGGAAGGTCTTCTCAAATTGAGAGTTTTC
GGGATAAGAGATTGTCAAATGGAATATTCTTCTTTGAACTTCTAAGTGCTGTAGAACCTAGAGTAGTGAATTG
GAACCTTGTTACCAACGGTGAAAATGATGATGAAAAGAGGCTAAATGCTACATACATTATAAGTGTTGCACGA
AAGCTGGGTTGTTGATATTTTTGTTACCTGAGGACATCATAGAGGTTAATCCAAAAATGATCCTCACATTAAC
TGCAAGCATTATGTACTGGAGCCTTCAACAGCCTGTTGAAGAAATGGATATCTCTCCTTCTCCCGCCACTGCAA
GTACTATCACAGATAGATCAACTACCTCGTCCATCAACGGTGAGGACGAGAGCTCCTCTCTGTGGTGAAGT
TTTGAACCTAAGCTTAGACGATACTGCCTCTGATACCACAGTCTCCTCTGTGATTGAGAATGAAAGGGATCTCA
TATGACCAACAAGGCGACTGATTTCAATTATGATGCTAGAATGTTTCTTGCAACAAAAATACATCAACTGGAA
AAATAAGAAAAGCAAATTTTTATGCTGTTTGAAGTGTGGTTAATATATCTGCTCAAATAGTTGATGCAGCAAATC
CACAACAAAACGCAAGCTTCTGATAAAGAAACACTCCCGTGAAGAAAACAATAAAATGAAGAAGAAAAAGGT
TAGAACACTAAATCAGCAAATTTTATGATCCTTCCAAAGGCAAGAGGTGGAAGGGTTGAGGATCAATAATGG
GTTGAGTCCCAAAATTTTCTTGAACCTGGTTTTCTTCAATGTAGATAATAGAAAAAGTTGGGTATTGAGAAAGTA
ATGTTGTTGATATGTGACCAGCTAGGTTAGTTTTACATGTTGTAAGATTTGTAGTTTATACACTGGTGTAGTTT
CATTTCAATTATGGTTGCCTCTTAAAGTTTGAATCTTTGTGGGAAGTCGGTCTTTACTATTGAAAATTATGTTGA
GATATATTTTCACCAACTAATAAAAGATCATGGATTGAATAAA

>trans_s_826 EU853459|Cucumis melo var. cantalupensis Ran-binding protein 1 mRNA, complete cds

TTCCCTAATTTCCCATCCTCTTTCCATAACCCAAACAAAAGCTTCATCTATGGCCACCTCCGATTCTGAGCGCCG
AGACGACGAGGAGGCTCATGCCGGAGAAGATGAAGACACTGGAGCTCAAGTCGCCCCATCGTCAAGTTGG
AGGCGGTTGATGTTACCACCGGTGAAGAAGATGAGGACGCTGTTCTCGATCTGGAGGCAAACTGTATCGGT
TCGATAAAGATGGAACCAATGGAAGGAGAGAGGTGCTGGTACTGTAAATTCTTGAAACATAAGCAGACTG
GAAAGGTTGCTTGTATGAGACAGTCTAAGACGCTTAAGATCTGCGCTAATCATCTTGTCTTCCATCAATG
ACGGTTCAGGAGCACGCTGGAAATGATAAATCCTGCGTTTGGCATGCCACTGACTTCGCTGATGGCGAATTGA
AAGATGAGCTTTTCTGTATCAGATTCCCGTCAATTGAGAATTGCAAATCTTTCATGGAACATTCCAAGAAATT
GCCGAGAGCCAACAGAAGAAAGGGGAAAACAAAGATGCATCTGCGGCAGCCGATTACTTGAGAACTGAG
TGTCGAAGAAAAAAAAAACTGAAGGTAAAGCTGAGGAGGAACCGGCCAAAGCTAAGAAAGAGGATGAGCC
CAAGGGTGAGCCAGAAAAATCAGTTGCAGAGAAAAAAATGATGAGTAACCAGCTAATGATGATATTATCAA
AGATTTTTGATATGAAGTTCACCTCTCTTCCATCCATGTCTTGTGGTACATCTAAAAACATACTCGGTTCTTGGA
TTGGATTTCTGCTGGGGTGGGAGAGAGTGAGAGTCATCAAATCGTACTTTGATTGGAGTCCCTTTCTTTCTT
TTTTCTTTCTTCTTTTGA AAAAATGAGATTTCTAGTCATGGTTGTTGTCAAATGGGGTGGGTTGTGTGACGGG
ATGTCTTGCGGTTTGCGAATCTTGAAAGAGTTATAGAATTGTGCGCGCAATGCTTAAGCTGAAGATGCTGCA
AGAGGTTAGTGATTTGCGGAAGACATCATACTACACACTTATTTTTTTGGATTGAGTTGGGTGCGTTTGTTTG
GTTTGTTTGTTTAATTTGCTGCTCAGTGCCGAGATTTTTTTTCTTACCTTCCGGATGAAGAAAAAATATGAT
GGGTGTTGTTGTTTATTGAAGTTTTAGCTCTTTTTATTTATTGTG

>trans_s_827 FJ502241|Poncirus trifoliata F-box family protein mRNA, complete cds

GAAAGGTAGGAAGAAAGTGAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGGGAGCTCTCTGGGCATGGAAGG
CCTGGCCATGCTTAGGCAGCTCATCGGTCAGCTTCAAGAGTTCTTGCAATTCTACCACTCTCATCCTCCTCCACC
ACCACCGCCGCCACCGCCGCCACAACCGCCGCAGCCACTGGCTCTCACCTAGCTTCATCTCACCAGAGGTGG
TGCTTCAAAGATATTGATGACAACTCTACAGATGATTATTACGGTCTTGTATTGGTGGCTGGTAGATCAGACAA
TTGTAAGATGACAGAACTTGATGCTTCCACCTTTGAAAAAGCCAAGAAAGGAGCGGAACCGAGGAAAAATT

GTTAGGATCAGCAGCAACAACCGAGGTGATGGAAGAAGAAATCTGGAAAGATTTCCAGAAAGACCTCTTTGA
AGCTGTCATTGCTAGACTTCCCATAGCCACATTCTTCCGGTTTCGTGCTGTTTGCCAGAAATGGAACACTGC
TAAACTCCGAAAAGTTTCTCTTTTACTGTGCGCAAGTCCCACAAACCATCCCTTGGTTCTACACCATTACTCAG
ACATGGTTAGTTCGGAGCCATATATGATCCTTCTCTGAAGAAATGGCACCATCCATCCATTTTCATCTCAGCCT
ATTAAATCACTTGTCTTCCGGTTGCTTCTGCTGGAGGCCTTGATGCTTGCTTGATTTTCAGTCATAGGAACTC
TATGTATGCAATCCTCTGACTCAATCTCTTAAAGTGTGCCAGCTAGATCGGTTGAAGTGTGGTCTCGTGTTGC
AGTAGGGATGACTCTAAATGGGAGTTCGACGAATGGGGGCTACAATACCTTATGCCTTGGCTGTGATGGAGA
GTATGAGATTTATGATTCTGTAAAAAACTCATGGATCCACCCCGGTAGCATGCCCTCGAGTATTAAGCTTCCAT
TATCCCTGAATTTCCGCTCACAAGCTGTCTCCATTGACAGCACACTTTACTTCATGCGTTCGGACCCTGAAGGG
ATTGTGTCCTACAACATGGTCACTGGGGTTTGGAAGCAGTTTATAGTTCCACCCCGCTACATCTGACAGACCA
TACGCTTGAGAGTACGGAGGACGGATCGTGCTCGTGGGGTTGTTGACGAAAAACGCAGCCACATGCGTGTG
CATATGGGAGCTGCAGAAGATGACTCTCTTATGGAAGGAGGTTGA

>trans_s_828 XM_002313609|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDT901), mRNA

TTTTCTCACATTTCATTTTCTTACGAGGCTTTTCTGAAAACCTAGCGTCTCTTCTTCTGCTCAACAATGGAGTTT
TGGGGTGTGCAAGTCAAGGCTGGTCAGTCACCTATTGTGAAACCTGGAAATGAGAAATTGATTCATCTATCAC
AGGCAACGCTAGGTGAAATAAAGAAGGACAAAGCAAGTGAAAACGTGACTATATTTTTGAAAATTGGTGACC
AAAAGCTTGTCTGGGAATTCTCTCTGCAGAGAAGTTTCCTCAGCTATCATTGATCTTGTGTTTGAGAAGGAA
TTTGAGCTCTCTCAATGGGAAGAGTGGAAGTGTGTACTGTGCCGGATACCAGGCTTACGGGGATGATCAT
GAACACGATGGTTATATTGATTCTGATGCTGGCTCAGATGATGAAGAACTCCCTTGGCCTCTGCTCAGAATGC
AAAACCAAGCTCGAAGGATGTGAAACCTGGTTTGTTGAAAGTAATAATGCAAAAAAAGCTTCTCTGAAGAA
GCCTTTGAAACCAAGCAAGGATGAGGACGACGTTTCTGAGGATGATGAATCTGATGATGATGAAGATTCTGA
TGACGAATCTGATGAGGAAATGCTTGAGGGTGACAGCGGCGATTCTGATGAAGAAGATGATGACTCTGAAA
GTGATGAGGAGACTCCGAAGAAGGTTGAATCAGCCAAGAAGAGGTTGAATGAGTCTGCCACCAAGACGACA
CCCCTTCCCGCTAAGAAGGCGAAGTTAGCTACGCCCCGAAAAGACTGATTCAAAGAAGGGGGGCCATACCGCG
ACTCCCCATCCAGCCAAGAAAACCTGGTAAAACCCCTGCTGCTAAGTTGGAGACCCCAAAATCTGGTGGCCAGT
TTTCTTGCAAATCCTGTGACAGGTCGTTCTGTTTCCGATGGTGCACTTCAGTCGCACAGTAAAGCTAAGCATGG
GGCTAAGTAAAACGAAGAGTGGCATATATTTTAACAGGTTTAATATGTTTTTTCTAGATAGGTTGAAATTTTG
TTGAGAGTTGGGAATGTAGAACGAGAAATATGACTGTTCAACCTGAGGGAGATTAATTGATTTTGATAAACGT
GTGCTTGTTTGTTGGTCTAGTTATGGTGTGTAAGTATTATTTCTTCCAAACAATGAATGTAGAATTGCC
CCCTGTTTCATGGGCTTTCATTACAAAAA

>trans_s_829 AY042810|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F10B6.14) mRNA, complete cds

ATTGTGCCTTACGTGAATCTTATATTAGAAATGGTCCTAGTGCGTCAGGGGACCAAGGAGCAACTGAAATGCA
GTTTCATTGTGTTGCCTGTGATCATCCTTCAGAGATGTTTGGGTTTCGTGAAGGAGGTTTTTCAGAATTTGCCA
AGGTTTGGACGGCTGAAACTCTATCCAGGGAACCTGAATACGTTAAAAGAATTTTCTCTGCCAGCAAGGACGT
GAGAGGGAAACAACCTTCATGAACTTGCTGACCACATGCTGTCAAGACTAGCCAATAAGTCAAATCTTCTGAG
GTGTACACTCATATCATGAGTTTCATTTCTGATGCTGACTTTTCCAAGCTAGGCAAGACACGACTTCCATCTGG
AAAGGATCAATCAAAAAGCAGCAATGGAATTCAGGTTTCATGTCAGGAAGCTCCATGGTTGAAATCTGTATAT
TCTGAAAAAGTCCCCAAACGGAAGAGCAGCGAATGCTCATCTAGTTTGAAGTACGAACGGAGTGACAAA
CGTGTAATGGAGCCAGAATTGCAGATAAGTTCTCACAGGGAACCCCTTTTGGATGAATTGGACAGTATTGTTA
GAATAAACTTGCAAGAGGCCAAAATGTTTCAAGCACGGGCTGATGATGCCAGAAGAGAAGCAGAAGGTTTAA
AGCGGATTGCTATTGCAAAAAACAAAAAATTGATGAAGAGTACACAAGTAGAATTGCCAAGTTGCGTTTGAT
AGAAGCTGAGGATTTGCGCAAGCAGAAAGTTGAGGAACTCCAGGCTCTAGAAAGGGCTCATCGAGAATATTC

TAGCTTGAAGGTACGGATGGAGGCAGATATTAAGATCTTCTTTGAAAATGGAAGCTACAAAACGGAACT
CCCAGTATGAATTAGTATCAACCAGGATTCGTTCTGCCTTTTATCTTCTGCTCTCCCTAGAATTGGAAGTAC
TTCAAATTTATAAGCTTATATATTTTCAATTTATCGTAGTAGTTCTTTTAGGTTTTACCTTCTAAGTTCTTTCCCT
CCCTTTATTTTGGACTGCTAACTAAAGTCTGTACAGCGACTTCAACAGCATTGTTCATGTATAAACAGTTCCA
TCTATGAAATCAATCCGAGAGAATTTTAAATCGGGTTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_830 EU825194|Vitis amurensis ICE1 transcription factor mRNA, partial cds

CTTCAATTTTTTTCTCCATCTTCTTTAACTTTCTCTCTATTTTCTCTCCACCTCACTGCACTTATCTCTTT
CTGTCAGTTTTCTCCATTTCTTTCCATTCCCAATAAACTCTTTTCCAAACCTAAACCTCAAAAAAAAAATAAA
ATAAATAAAGAGGTACTCTCAACCTCATCACTCATCACCTTCTGCTTCACCATGCTTTCAGAGTTGGGAAC
GTTCTTTGGATGGAAAATCGCGAGGATGAGGATTCGTCTTCTGGACTAAAAACAACAACGACCACAACCATC
TCAACCACCCTGTTAATTGCTCTGTTTTGAACAACAAAGACGAAATCACCTCTCTCTACCTTCAAATCCATGC
TTGAGGTTGAAGACGACTGGTGTATCTCTGCTAATGCTCTCCATAACCATAACCACCACACCGACATCAATGAC
ATTACCTTCTCTCAAATTTACCGACCCACCTGATAATTTGTTGCTCCCCCTGGGGATTCTCTCTTCTTGT
CCCCTTCTTCTGTGTTAATAACATTGACCATCTCAATTGCGTTTCTTCTTGCCTCCAACCTCGCACTTGTCT
TCACTTCATAAGGTAGTTTCTAACAACCCTTTAGACCATGGCTTCGATTGAGGAGCAGAGGTTGGGTTTCTGA
CGTCCAAGCTTCAAATGCTTCGACTCTGCTCAACGATGGAGGTGGGTTATTAAGTGGGTTCACTGATTTAAGCC
CAACTAGTCAGATGAACACTCCTAATTTGTGCTTGGGTTCTCAATTGACAGCACAAAACGTGGCCCCAATGGG
TGACAATTGTTGCGGATTAGCGGGATTTAGAGTTTTATGAGAAATTTGGGAAATGCTCTGCTTTTGAATCGG
TCTAAGCTTTTGAAGCACTTGAATCTTTTCCCTCAGTGGGAGCTCAGCCGACTCTTTTCCAGAAGAGGGCTGC
TCTAAGGAAGAGTTTAGCTGATAAGGGAAGCAATTTGGGGGTTTTGAGCCCCGATGGCGGCTGGTTCTCAA
TAGGATTGAAGGAGGCATTGGGAAAAATGAAATGGGTGACGAAAATGGGAAGAAGAGGAAAATGATTTATG
CAGATGAATTGCAAGATACTAGCATTGACACATCCCGTTTCAATTACGATTCTGATGAGTTTACCGAGAATACT
AACACTAAGATTGAATGAGAGTGGTAG

>trans_s_831 NM_119573|Arabidopsis thaliana LEJ1 (LOSS OF THE TIMING OF ET AND JA
BIOSYNTHESIS 1) (LEJ1) mRNA, complete cds

AACATCACACATCTCTGTGCTCTCATTGATTAAAGTCACTGAAACGTTCAATATCTCCGACCGACTACACGG
GGATTTTCTCCCATTAACGCCTTTTTTCCCTTTTCTCTTGGGAAAGTGTCTTGTTCCTATCCTTTCACG
GATCGGAAGCTAATTACAACCTAATTCTCCGATTCCACTTTCAATTCTGAAAAATTTCCGGTTGTAATTCTCTTCC
GTTGCTAGATCAGCCATTGATTGTTTTGAATTTCTCTGTTTCTCTCAATCATCAACCAAATGACCTCCATCTC
TCTCTCAATTACATGCTCTTGCGCGGCCCTATCTCATCATCTTCTCACTCTCACCGTCAACAATGGTGTTC
CGCCCTCTGCTTTCGTCCAATTCTTTCTAAGCTACACCGGTTTGGGATCTCCGACCGATTCCCCGCTCGTCT
CCCTTGCTTTGGTTCTTGCTTCTTCTGGAGCTGGCGTCGTTGATTCTTCCCGCTCAGAGGAACATATACGGTT
GGTGATTTTATGACGAGAAAGGAGAATCTATATGTTGTTAAACCTACAACAACAGTTGATGAAGCATTAGAGG
TCTTGGTGAAAAGAGAATAACTGGTTTTCTGTTGTCGATGATGATTGGAATCTGGTTGGAGTCGTCTCAGA
TTATGACTTATTAGCTCTTGATTCCATTTAGGTGGCACTCAAAGTGATACCAATCTGTTTCTGATGTGGATAG
TTCGTGAAAACATTCAATGAGATCCAGAAATTGCTCAGTAAACAAATGGTAAAGTTGTTGGAGACCTAATG
ACATCTTCTCCACTAGCTGTTGCTGAAACTTCAAACCTAGAAGATGCTGCCAGGTTGTTGCTTGAAACAAAATA
TCGTCGATTGCCGGTAGTCGATGCTGATGGCAAGTTGGTGGGCATCATTACTAGGGGAAATGTTGTTAGAGC
TGCTTTCAGATAAACGAGCTGCTGAGAGGTCAACGTAATTCTAGAAATATTCTCAGGTGCCACTTTGAGGT
AAATGTTACTAGGAAGTGTATCATTAAATTGTAGATCACGATTAGTTTCTTATAGTTTACACAGGGTTTGATTG

TTACAATTATCTGAATTTGTGTTTTCCATCCTGAAGTAACTAGAGCTCGAAAGGGAAGTTTATTGATTCTCTAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_832 X78347|M.crystallinum PPDk mRNA

AGCCCAAGGAATCGGCTTGTGCAGGACAGAGCATATGTTCTTTGCATCTGATGAGAGGATCAGAGCTGTAAG
GAAGATGATAATGGCAGTTACGGTCGAACAAAGGAAGTCGGCTTTGGACTTGTTATTACCTTATCAAAGATCC
GATTTTGAGGGAATTTTCCGAGCAATGGATGGTCTTCCAGTGACTATTAGACTGTTGGACCCTCCACTCCATGA
ATTCCTTCCAGAAGGGGACCTGGAAGAAATTGTCAAAGGACTAACTGCAGAGACTGGAATGAGTGAAGATGA
AGTGTTTTCTAGAATCGAGAAGCTCTCGGAAGTTAACCCAATGCTCGGTTTTCGCGGTTGCAGGCTTGGGATT
TCATACCCGGAGCTGACGGAAATGCAAGCTCGTGCTATCTTCCAGGCTGCTATCTCAATGAGCAATCAAGGAA
TTAAAGTTTTGCCTGAGATAATGGTTCATTGGTTGGAACGCCACAAGAACTTAAACATCAAGTCAGCTCAATT
CGCGGTGTTGCTGAGAAGGTGTTCTCAGAGATGGGTTCTCCATAAGTTACAAAGTGGGAACCATGATTGAA
ATTCCTAGAGCTGCTTTGGTTGCAGATGAGATTGCAAAGGAAGCAGAGTTCTTCTATTCTGGGACCAATGATC
TTACACAAATGACTTTTGATACAGTAGAGATGATGTTGGCAAGTTTCTTCTATTTATATATCCAAAGGAATT
CTACAAAATGACCCTTTTGAGGTGCTTGACCAAAAAGGAGTTGGGCAACTGATCAAGCTAGCTACAGAAAAA
GGGAGGGCAGCTAGGCCAAGTTTTGAAGGTTGGCATTGTGGAGAACATGGAGGAGAGCCTTCATCTGTTGC
ATTCTTTGCTGAGGCTGGACTTGACTATGTTTCTTGTCTCTTTCAGAGTTCCAGTAGCAAGATTGGCTGCAG
CCCAAGTTGTTGTTTAAGATGAAGAAGATTGAAGGATACCAAATTGGGATATAATTAAGTTTGTGGAGTTGTA
AATAAGAATTTATTTGTTGGATAAAGGAAGATAAAAAAGGGAAACCTTCATAAAGTTTATCAAAGGATACAAA
TATTGTATAAAAAAGTATAGATATTAGAAATGGAAAAGCAAAGAGTTGTTTTCTCTTCATTCACTAACTAAAT
ATGATACGTAGATTCAAATTTGAATAATTTAGTCATTCAATTTTCTTC

>trans_s_833 NM_119255|Arabidopsis thaliana lipoyltransferase (LIP2p) (AT4G31050) mRNA,
complete cds

ATCTTCTTCTTCAGTTTCAGTTTGTTCTTCCATTTTTCTTGTTCAAAATTAAGTTTCCATGGAATGCTGGGGA
TTAATTTTACCAATCCCTGTATAGTTTAAACAAGCTGATGATTCTTTAACTCCCTCTGCCGGCTTCTTCCAAGC
TGCTCAAACACCCACCGTCCGCCGAATCACAACGATCACATCCTCAAAAGATTTTCTATAAATTCGATCAAAT
TCTTCGTACAAAACCTTCCGGATCACCTTACCCCTCAATGCACTGCCAAAATCGTGCGAGTGTTTCGATTGCA
TCAAAATCTAATACCCTATGGGGATGCATGGTCTTGGCAAAAGGAAATTGTGAGAGAAAAAGTGGGATTGAT
CGATGCGAACCAGGATTGCCAGATACGTTAATTGTTTTGCAGCATCATCCTGTGTACACAATGGGCACTAAC
AGTACAGAAGAGTATTTCAATTTTGATCTCAAGGATTCTCATTTCCTTTATCGAACTGAGCGTGGAGGGGA
GGTACTTATCATGGCCCTGGCCAGGATTTGCCCTGTGCTGTAGCTAGTTATGTACCCTATTGTCAATCTGCGA
AATCACAAGATGGATCTTCATTGGTACCTCAGGGCACTTGAGGAGGTCGTTATACGCGTTCTTCTCAACGTT
TTCAATCAATGCCATCGAATTGATGGTTTAAACAGGTGTCTGGGCAGGAAACCAGAACTTGAGCCATTGGA
ATTCGGGTATCGAAATGGATAACATTTTATGGATTAGCCCTCAATGTTACCACTGATCTAACTCCATTTAATTG
GATAGTTCCATGTGGAATACGAAACCGGAAGGTGCGAAACATCAAAGAGTTGCTAAGAGAAGCTGATTTACA
CACTGGATTTAGAAAAGATTCCCGGTTGATAGATATCACTTTTGGAGCTCTAATACAGGAATTCTCTGAAGTTT
TTCAACTTGATATGTATCATAAAACCATCCCTTCTTGGAGTTCTTGAAGCAAATTTCCAACAACCTCCCTGGTG
AGATATCTTATAATCTCTAACTGTAGATGTTAAATGTTACCACTCTTAATTTATACCATTTGATTTGATTTGAC
ATAAAAGGTTTTGAAAATGTTGTAGCTTTCTGAAAATTTTATAATGATGTAAATGAAAGAAAGAACTACTTGA
ACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_834 AY062607|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

TCCACTTTGGTCAGCAAATTTCTTCAATAAACTCCCTTCTAGGCGTGGGCGCGACGACTTTTCTCAAACCTTGAA
GTTCTACCTTTATTCTGTCTTCGCTTCCAAGGGGAGTTTGATGGGCAAATTCATTTAAGTTGAATCCAGCAA
GTTGGAGACGAATCCTAATATGGGTTGTGGGAATTTGTTCTTCTGGTTCTGGTAACCTTCTCGGTAGCTCTAA
TTACTTACAACATTATCCTCTCTGCTAATGCCCTCTCAAGCAAGAACTTCTGGTCCATCAAGATCTTCATCTTC
AATTACCGTGGACCCCGTGATTAAGATGCCCTGGATAGATCAGAACTTCTTCTCCAAACGACTCTTCCATA
CGGCAGTTACTGCGTCGGATTCCGGTGTACAACACTTGGCAGTGTCCGATCATGTACTACTGGTTCAAGAAGTT
CAAGGACGGACCTAATTCTGAAATGGGTGGCTTACCAGGATCTTGCAATTCGGGGAAGCCCGACAAGTATAT
GGACGAGATCCCCACCTTCGTTGCTCAGCCTCTGCCGGCGGGAATGGATCGGGGCTACATTGTCCTCAACAGA
CCGTGGGCATTTGTGCAATGGCTTCAACAAGCGGACATCAAGGAAGATTATATACTCATGTCAGAGCCGGATC
ATATTATTGTCAAGCCTATACCAAATTTGTCTAAGGATGGGCTTGGGGCAGCGTTTCCATTCTTTTACATCGAA
CCCAAGAAATACGAGAGTCAATTACGGAAGTTCTTCTGAGGACAAGGGTCTATTACCAACATTGATCCAA
TAGGGAATTCACCTGTTATTGTTGGAAAGGAGTCTCTCAAGAAAATTGCTCCCACTTGGATGAATGTTTCTTTG
GCAATGAAAAAGGATCCTGATACAGATAAGGCTTTTGGTTGGGTTCTTGAAATGTATGCTTATGCTGTCGCTT
CTGCTCTACATGGTGTGGTAACATCTTGTATAAGGACTTTATGATTACAGCCCCCATGGGATACAGAAAGTAGG
CAAGAAGTTCATAATCCATTATACTTATGGTTGTGACTACGATATGAAGGGAAAAGTACTTACGGTAAGATT
GGAGAATGGAGGTTTGATAAAAGATCATATGATAATGTTGTTCTCCTAGAAACCTTCCCCTGCCACCACCCG
GCGTCCCTGAAAGCGTGGAACACTTGTGAAAATGGGTAAT

>trans_s_835 XM_002893986|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F2G19.31/F2G19.31, mRNA

AAGAAAAGTCAAACAGGCCGAATTGGAAAAGAAAAAGGCCGAGAAGGAAGCCGAAATGGAGAATGCCAA
AGGAATCAGCCTTACGAAAAAGAGTGTGAAATAGGTGATAAACTTGAGTTCTCCTTAGCATGGGAGATTGAG
CTCTCATCCTACATTGGCAGCGACTCGGTTGTCAACTTGCGGCCAAGGGGAAGCATGCCGTGTGACCGAAGTG
CATCCAATTGAGATATGTTCTGCAGTGTTAAGGCCCTCAATGAATGTGGATATGAAACACAATGGTCTGTTTA
TTAATCATACGCCTGCAGAACTGTTGAGTTGGCCAGCTCGTTTATTTGTACATATCTGACCGGCTGCTACTTGA
ACCAACAAAATCACGCCCCAACTCAACCGATGTTTCACTCTTGAATAGACAGATCAATCAATCAATCATG
GAGAGAGATAAATATTGGATGCTGACTGACTTATCTTCGCCAAGCAAAGGTATTCTCTATGCTGGTAGCTGCA
ATTCTTATTATGGATTTGGCTCCTCCGGCAGAGTTATTGAGAAGAGTATTTTCAGTCCTAGATCAGTGTTTTGAT
TAAAAGTAGCAATTTGGTTTCGGCTTTGACGACGTATGCATTTGGCATAAATTTTTTGGGCAGAGAACAAATG
CGTCGAAATTGCATCCTCCTTGAAGTCCAGCCATAGCACGAAACCATGTACAGAGCCTCTCTAACCATTCCATA
CATTAGAATGTAAAATTTGTTCTATTGTTTGATGATGTAACATGAAAATAGTTTTTTCTTTTCATCCCTCCTTT
ATGTGTAGATTTTTTACTCAAACCCGTCATAGAAGGTGTTGTATAGAGCAGATTCAGAGAGTAATTAGAAGA
CGGGTTCTCCCACTGTAATTGTAACATAAAAAATCGAAAAATATAGGCCACGTTTGAAGTCTTTTGTTC
TTCATTTTTATTGCTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAGACTCATTATCCTCCATTATCATAATGAGA
GCAACTGTAGTCGACATGCATTATTCCTTTGTTGTCTTTTTGGACAATTTGAGACAATTTGTCCACCAGAC
CTCATTATTAAGAATCCCTTCAGGTGATTCAATTTTTTATGGATTTTGTAGCCTTTGCTTTTATGGAAAATGTTT
CCTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_836 XM_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

TCAATGGTATTAGAGATTCTGGGCTATTGCCATTGTTTATGAATTGTAAAGCAGGATTGGTGAATGTCAATCTA
AGTGGCTGTGTGAATCTAACCGACAAAGTGATTTCTCCTTGACCAAGCTTCATGGTTGGACTCTTGAATTGCT
CAATCTTGATGGTTGTTTGAAGGTCACCGATTCAAGCTTGGTGGCAATTGCAGAGAACTGCCATTGCTCAAT
GATCTAGACGTCTCCAAGTGTGTATCACTGATTTTGGGGTTCAGCACTTGTCTAAGCCAACCAAGTTCAACCT
GCAACTCCTTTCTGTGTTGGGTGCTCTGCCTTAACTGACCAGAGCTTGCTTGCTCTTGTAATAATTAGGCGACT
CCCTCTGGGCTTGAATCTTCAGCACTGCAACTCAATCAGCACCAGAAGTATTGAGCTGCTATTGGCTCAACT

CATCGGTGTGACATCCTCTACTGAGCTTATTAGCAGAAAAGGCGATAACAAATGGAGGAATCCATCTGTAAGA
AGGTAGCATAAAAAATATTATCAGGGTAATATCATTAGACTAGTTTTTGGGTCCATGGGGTATGGGTCTTCGTC
ATCTAATAACCTTAGGTCCATTTTCCAGGGAATATGGTCATTCTTTCTTTTTCACAGATCTCCCTGAATGGGT
TCTGTTTTTAGTGTTTTGGCTCTCACATGAGATGTCTCTCACTTTGATTGATGGCCATCCTTCCCTGAGCTTTCCA
GTTTCTGGATCAAAGGTTATTAGGTCCTGTGTTATTTGGGTAATCCGTCTCCTGGTTTTTGTCCCACTCGTCACC
ATGTAGGGATTATCTCAGGTTCAATTACCCGATCCACCCTTCGGTTTCTTGCTGTTGTTTCTGTTATGTTTGGGT
TTGTGTTTGTATTTTCTCAAAGGGGGTGGAGTTTATGATCGCCTAGACAAATCATCTTCTTGTTACTCTTAGC
AGTTCCGGTATTTGGTTCCTTTCCATGCACGGGGCCCCGGTTGTGGCAGCGGGTTATACAAGTCTGTCACCAC
AATCTTCTTGTCGAAGGGATTGTTTTTTAGAGTTTATACCAGGCCTTTGTTTTTCAGGAACCAATTTTTTTTA
AGGAACTTCGCCATTTCAACTGAGTTGTATGTAATGACTTGACAGATCGGCCCTATGTCCTTTGTGATGTAAC
TGTAAAGTTTCGTATCCAATAATATTAAT

>trans_s_837 AL161558|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 58

CATCAAAATTCAATTCGTAGTTATTTAGGTTTGAAGGCTAAGAAAAAGCCTAGTAGAAGGAACCTTCACCA
GGCATCCTTATCTTGTCTCCCATCAAGCATCAAAATGCACAAAATCCTAGGTTTTTTTGGTCCGAAGGCGTAGA
AGGAGTCAGAAATCCATATTCACCTCAAGGCGCGGAGCGAAGCGACTGGAAAGGTGCGAAGCAGCTCGAC
TAAGAAAAGGAGGCGCAGAGAATTTGCGAAAGAGAGAGAAGAAAGATTCTCTTTGCAACTCCGACTAATT
AAGCTACGTAGAACCACAAAACAAAGGTTCTCTTTATTCAATGATCGTCTAGTATCATTCTCAAATTCTTGAGCC
TTTTAAGGATAAGGACTTTTCGCTTTCTCTTTATTCAATGAGCTTTGATCCTTCGCAAATCTTTGCCCTAACCGC
TCCTCTCCTCCTAACCTCAGTCGAGTGGCTTCGCTCTGAACCTATATTTTTTCTACGAGTACCTTCGCTCTATT
TCAAACCTACGAGTACCTTCGCACCCTATCTTTTGAAGTCGAGTTATTTCTAATCTAAGGGCTCAAAATAAGGGA
TAAGGACTTCGCTTTCTTTATTCTCTTTGACCCTCTCCTCTCCTTATCAGTCGACTTTCTTCGAACCTTATTATT
GGAGAGCTATTTCTGAAAATCAAGGGCTCCTGAAAATATGATAATTCAGTCCTTTTCGCTTTCTTTATGAAATTC
CTTGTAATTGACTCCTTATCAGTCGACTTGAAAAGAACCGCCCCGTGGGAGTCGAGTTCTTCCCTGAACCTTC
GGACGGACCCTTGTTTATTCTGAATCAATGAATAAAGGCTAAAAACAGAAATCCATATTCACCTTTGGACCAC
TAAAAGATGGAACCTCAAACTGAACTAGGACTTCTTTTCTTGACTGATTTATGGAATTGAGTTGTTGGATAG
GCTTTCCCTTTATGGAACCTGAACTTTCCAACCTTCTCTAGTTTGAGAACTTCAACTTCTAAACCTACTAAATCAA
GCCTATCCTTTCATCCGCTGAAATTCATGTATAGGGGTTTCTTATTAGTTTCAAGGTTAGAAGCAGCTTTACC
GAGTTGTAGAGGTTCAAGGGAAAGCTTTGTTTGAATTCGACCTCTCCTTATACGCGGGGTCATGGACTCCTT
TTTCGGGGCTTCGAAAAGGGATCACCT

>trans_s_838 GQ906755|Eriobotrya japonica ATP-dependent Clp protease mRNA, complete cds

GATTATCGCTCTGCTTCAAGGTTTCTCAAGCCATGGAGGTCGCCACTACTGCCTCCAGCTTCGCACTTACCAAG
CGAATATCCCCATTGTTTGCTTCTTCCAATTATGGAAAATCGAACCGGACCTTGTCCTTGTCGTCATCCTCTGTC
AGAACGGCTCCCCTTCGACTAATTTCTCATCCATTGCGCGGTGGCAGCGTCTCCGGGGACTTTTCCGGCGT
GAAGCTCCGGCCTTATTCACCTAATCCGAATTGTTTCCCTGGATCCAAGGGCAAACGGGGTGTGTTACTATG
GTTATTCCATTTTCAAGGGGAAGTGCATGGGAGCAACCTCTCCAGATTGGCATCTTATTTATACAAGAATCG
AATTGTATACTTGGGCATGTCTCTTGCCCTTCTGTCACAGAGTTGATACTTGCTGAATTTCTTTACCTTCAGTAT
GAGGATGAAACAAAGCCTATTTATCTTTACATTAACCTCACGGGGACAACAAAGGGTGGTGAGAAGTTGGGC
TATGAAACTGAAGCATTTGCAATATATGATGTTATGAGGTATGTTAAGCCTCCTATATTCACATTATGTGTTGG
TAATGCTTGGGGAGAAGCAGCACTTCTTTTGGCAGCTGGTGCTCAGGGAAACGTTCTGCATTGCCCTCATCA
ACAATAATGATTAAGCAGCCAATTGCAAGGTTTCAGGGTCAAGCGACAGACGTAGAGCTTGCTAGAAAAGAA
GTACGGAATGTGAAGGCAGAACTGGTTAAGCTTTTGCCAAGCATGTTGGAAAGTCAACTGAGGAGATTGAA
GCTGATATCAGGCGGCCAAATATTTTACTCCCAGCGAAGCAGTTGAATATGGTATCATAGATAAGGTTCTAT

ACAACGAAAGAACAACACTGAGGACCGGGGAGTTGTATCTGACCTGAAAAAGGCACAACCTATTTAGTATAGAA
AAATGTGGATTGGCAAAACAGTACCAAGATTGAAGTTCGCACAAATACTGGGTAGCATCTGAAAACCTGAAATT
TGGAATCCTTGAGCAGTATTGGTCGGACTCAGGAAACAATCTGCGAGTTTATTGCGAGCTTATCGACTTCCAG
TATCTGAGGAACTTTCTGAATTATATTACAATTCTAGAACAATGTTACAAAAAGGAAAACCTGGTTGATTGATT
CAACTTTAACCAAGAAAATTGAAGCATTCTGTTTTGCCCAA

>trans_s_839 NM_116162|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding (AT3G62970)
mRNA, complete cds

CTCCAATGGAAGAAGAACAACACTTCCCTCTGCCCCAATCCGCCATGAAACAAGATTTCTGGGAAATTGCAATATGG
ATGCGAGCATTACAGGAGACGGTGCAAAATCCGAGCTCCATGCTGCGACCAAATCTTCACCTGTGCGCCACTGC
CACAACGAGGCCATGACCTCGCTGAGCAATCCCAAGGACCGCCATGAACTTGTTGCGCCGGGATATTAGACAA
GTGGTTTGCTTAATTTGCAACACAGAACAAGAGGTTGCTAAGGTTTGTGCAAGTGTAATGTTAATATGGGAG
AATACTTTTTCGACATCTGCAAATTCTATGACGATAATACCGAGAAGAAACAGTTTCATTGTGATGCGTGTGGT
ATCTGTAGGGTTGGTGGTCTGAAAATTTCTTTCATTGTGAGAGATGTGGATCTTGCTATTCCACTCCTTTGCG
TGATAACCACACATGTGTTGAGAACTCAATGAAAAGTTATTGCCCCATCTGTTGGGAGTTTCTTTTTGACTCAA
TAAAAGACACAACCTGTTATGCCTTGTGGTCACACAATACATTGGAGTGCTTCAGTGAGATGGAATCAATGAA
TCAATACCGTTGTCCAATCTGCTTGAAAACAGTTGTGGACATGTCTGCGAGCTGGGCATTGCTGAAAATGGAG
ATTGAGTGTACACCGATGCCCCGAGGAGTACAGCCACGAGGTATCAGTCCACTGCAACGATTGCAGCCATATTA
GCAAAGTTCGCTTTCACATTTTGGGACACAAATGCAGTCAGTGCAATTCATTCAATACTTGAGGACTTCTTCC
GGAGGACGTCAATAAAAACTAAAGGTACCCAAGAAATGTGGGGCTCTCTTAAACCCAACAATTGGAATTAGA
TTTTGCTGAACGTTTGATTGTTAGAGCCATTTTCATCCATTTAGGAAGTCGCCCTGTTTTGTTGAGAGGCTGACTA
TGATTGGTTTTATACCTATAAATTCAGACACATTTAGTAAAGTAGTGCGATCTTCTATAGGAAGTGTCATTTTCT
TTTTTCATTGTAACATTTAGCATTTCATCTGAATGTTTATATATCATATTAGACACATTATACAGAAATGAATTT
ACATGAATCTCAATCCTTGTTGAATACTGAATTTCAAGTGTAATAAGAAAAGATAGGTGAATAATATTTTC
CATTGACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_840 U46758|Oryza sativa potassium channel beta subunit protein (KOB1) mRNA,
complete cds

ATAGAATCCACCGTCTTCACGTGTTGTTGTTTCATCAAAATCCTCTCCATTTTGATTTCTTTTCCAAATCTCGTTT
CACTCTCTTTCTCTCGATCGTCCTTCATTTCCGGCCACGATGCAGTACAAGAACTAGGGCAGGTCCGGCTTCG
AAGGTCAGCCAGTTATCCTACGGTGCTTGGGTAAGCTTCGGCAATCAGCTCGACGTCCGAGAGGCCAAATCTC
TTCTCCAATGCTGCCGTGACCACGGCGTCAATTTCTTCGACAACGCCGAAGTCTACGCCAATGGCCGAGCCGA
GGAGATCATGGGTGAGGCCATTGCGGAGCTTGATGGAAGCGCTCCGATATAGTCGTTTCCACCAAGATCTTT
TGGGGAGGTCTGGTCCCAATGACAAGGGGCTTTCTAGAAAGCATATTGTTGAAAGGTACCAAGGCTTCACT
GAAGCGATTGGATATGGAGTATGTTGATGTTATTTATTGTCATCGACCGGATTCTCCACGCCGATCGAGGAG
ACGGTTAGGGCGATGAACTATGTGATTGATAAGGGGTGGGCGTTTTATTGGGGAAGTGTGAGTGGTTCGGCT
CAGCAGATCACTGAGGCTTGGGGGATTGCTGACAGATTGGATTTGGTAGGCCCGATTGTGGAGCAGCCGGA
GTATAATTTGTTATCTCGGCATAAGGTTGAGTCCGAATTTCTCCCTCTGTACAATAACTATGGCATAGGTCTAA
CGACATGGAGTCCACTGGCTTCGGGCGTGCTCACTGGAAAATACAACAAGGGAAGTATACCACCTGATAGCC
GATTTGCTTTGGAAAATTACAAAAATCTTGCAAATCGATCTCTGGTTGATGATGTGTTGAGAAAAGTCAATGG
GTTGAAACCAATTGCAGATGAGCTAGGTGTCCCGTTGTCTCAGCTAGCAATTGCGTGGTGTGCTGCTAATCCT
AATGTCTCATCAGTTATCACTGGCGCCACAAAAGAATCTCAGATTCAGGAGAACATGAAAGCTGTGGACGTGA
TCCCATTGCTAACTCTGCAGTAATGGAGAAGATTGAGGCTGTTGTTCAAAGCAAGCCAAAGCGCCAGAGTC

GTTTAGGTGAACATAACACATTCTTTAGCACTTAGCACCATAGTCTTCTGAGCATTGCTTAACAACTTCCTTCCA
TATCTCTGTGTTGTCTAATAACCACACGAGAAGATCAGTAGTCTT

>trans_s_841 XM_002894284|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RWD domain-containing protein,
mRNA

AAAAATGAAAACCTCTTCGGCAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGACAGAGAGAGACAGAGAC
AGAGACGAGAAAAAGGTTAAATAAATACAAGGGCAAGAAGGGTTTTTATAGTTTATTTTCTGTGTTTTATTTCC
CCTTTTTCTTCCATCCTTCTCCCCCTCAAACCTCGAAAAAATTTCCACAAATTTTCTCCCAATCCATTATATTTGGT
TACTTTACCAACCCCTTAGGGCAAGAGCTGAAGAACTTCCTTATGATTTTTGTTTTGAGTAGTAATTTTGGG
GTCTCCATTAGCTCAGTGACCGTGATTGCATCTTACGAAGCCAGGAAGAGGTGTAAGTGGAACCCAATTACAG
CAGCCATGACTGACTATGCACAAGAGCAGGAAATGGAAATTGAAGCATTGGAAGCTATACTTATGGACGAGT
TCAAAGAAATTCACTCAAGTGAGAGTGGCCTAAACACTTCTGGTAGATGCTTCAAATAACACTGTCTCCACAG
GATGATGAGACAGACGAATCAACAAATATGCCAGTTCAGCTGGGTTTGATTTTCTCGCATACAGAGAAATATC
CTGATGAACCTCCACTTTTGAATGTGAAAAGTATTAGAGGAATCCCGGGAGAAGATCTGAAGATTTTGAAAGA
AAAGCTTCAGCAAGAGGCTTCTGAAAATCTTGGTATGGCTATGGTCTACACACTTGTAACATCATCTAAAGAG
TGGCTATCTGAGCGATTTGGTCAAGAAAGTAGTCTTGAGATTGCCGAAGCAGAAGAGAGAGCAAAAGAAGA
TGTAATTGTACCTCATGGAGAACCTGTCACCCTTGACACATTTTAGCATGGAAGGAAAAGATTTGAAGCAGAG
ATTGCACTGGAACGAGCCAAGATAATGCCCCGAATCAGCTCTTACTGCACCTAAGGAGAAGAACTTACTGGCA
GGCAGTGGTTTGAGAGCGGAAGAGCTTCTGGGAAAGGTGCAGCTCCAGTTACTGAAGGATCTGACGAAGAT
GACGAGGAAGATATTGACTTCGACGAGGATGAATTTGAAGATGATGATGAGGAAGACATGCTTGAGCACTAT
CTAGCGGAGAAATCAGATTCATCCTCTCACTCATCCAGAAGGCCTTAGTTATTTATCAGTTTATTTGCTTCATTA
CAAGAATGGATATCAAATTTTGGCTTGTAATCTTACTTNGGAACAGG

>trans_s_842 XM_002871805|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Mo25 family protein, mRNA

TTCAGCAAATTCCTACAATTCAACGAAGATCGCTAGGGCAAACGTTGAGGAACCACGGAAGAGGGAATTTG
ATCTCGGCTGTTGATCATGTCTGTTCTCATTCTTCAAGCCATCGAGGCCTAAAACCCCTCAAGAGGTTGCCAAAG
TCATCAAGGATAGCCTTATGGCTCTCGATACCAAACCGTCGTTGAAGTTAGAGCTCTTGAGAAGGCTATGGA
GGAAGTTGAGAAGAATTTTGTAACTATGAGATGTATGCTCACTGGAGACGCGGAGGTTGAACCCAATGCGGA
TCAAGTTTTACAGCTAACGCAGGAGATATGTAAAGAGTGTGTTATCGATCTTCTAATCCATAAATTGCCTGTTC
TCGGATGGGAAGCAAGAAAGGACCTTGTCATTGTTGGTCCATATTGTTGAAACAAAAGGTTGCCTCCACTTA
TTGCTGTGTACAGTACATTGAGAACCACCTTGAGTTGTTAGACTTTCTCGTTGTGTGCTATGACAACAAAGAAA
TTGCTGTGAACTGTGGAAATATGTTGAGGGAATGCATCAAATTTCCAACACTTGCAAAGTACATATTGGAGTC
TGCAAGTTTTGAATTGTTCTTCAAGTTTGTGGAGTTACCTAATTTTGATGTTGCATCAGATGCATTTTCTACGTT
TAAGGACCTGCTTACCAAACATGCTGATATAGTTTCCGACTTCTTGAGCTCTCATTATGATGAGTTCTTTGACAG
ATATGAAGCGCTCCTGACATCTTCCAATTATGTAAGTAGAAGACAGTCGTTGAAGCTTCTATCAGAAATTTTATT
GGAATCTCCAAATTCCTCAATAATGAAGCGTTACATTCTAGAAGTTCGGAACCTTGAAAGTAATGATGACTCTAT
TAAAGGATTCCAGCAAGAACATCCAACATCTGCTTTCCACATATTCAAGGTTTTTGTGCAAATCCTAATAAG
CCACGCGAAATCAAGCTTATTCTGAGTAAAAACACGAAAAGCTTCTGGAATTGCTTACAATCTCTCTCCTGG
GAAAGGTGCTGAGGACGAACAGTTCGAAGAAGAAAAAGAGTTGATAATCAAAAAAATCGAAAGAGTTACAC
TGATGCAACATCTTGATCGTTAAGTCGTTTCTCCACGCCGTATGTTGATGTATGCTATTTCCATCCATCCATGA
TCCAATGTACTGTCAAACAACGTTGTTGCGAATTGA

>trans_s_843 XM_002888023|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata OST3/OST6 family protein, mRNA

TCTACCCAAAATTTGGCCATTGCACAAACCAATCTCTCGCTTCGAGCCAAAATGGCGACACTCAAATTCTCTC
ATCCTCTCCTCCTAACTCTCCTTCTCGCTCTCTTCGTTCAATATTCTCTATCTTCATCTGACTCCGATCGAGTTGCA
GAGCTTCTTGACCTCCAATCTCGATCCCCTTCCGGTGTGATTCACTCTCGACGACCAGTCCGCTCTCCCGTTTCCTT
ACCACACCAAAAAAGCCCTAGACCTTATTCACTTCTCATTTTCTTTGACGCCTTACAGCTTCACGACAAGTCCGAG
CTCCACCTCAAAGAACTCCGCCATGAATTTGGCCTCGTCTCCTCCTTCATCGCCAACAACCCCGATCCCTCT
TCTCCATCTCGCTCCAAATTATTCTTCTGCGAGATTGAGTTCAAAGAGTCCCAACCTAGTTTTTCCCTTTTCGGC
GTTAATGCTCTCCCCCATGTACGGCTGATTGGCCCCAATCAAACGCCTAAGAAGTCCGATCAAATGGACCAAA
GCGACTATTCCAGATTGGCTGAATCCATGGCGGAATTTGTAGAGTCCAAGACATCGCTTGTGTTGGTCCGAT
CCAACGACCCCCAATGTTTTCCAAGAACCAATTGGTTCGATCTTTTCATTGCCATGTGAATTCGGCGCCATTTGC
TTTGGAAAAGGTCATTGCAGGTGAGACATTGCTCAACGACCGGAAAGTCTGGTTGATGGGGGCTATCTTTATC
TACTTTTTCAGTGTTGCGGGCACTATGCATAACATTATTCGGAAAATGCCCATGTTTTTGACCGACCGGAACGA
TCCCTCCAAGCTGGTATTCTTCTATCAGGGCTCTGGAATGCAGCTTGGTGCAGAGGGGTTTGCTGTGGGTTTCT
TGTATACGATTGTTGGGTTGCTTTGGCTTCGTGACTCATGTGCTTGTCAAAGTCAGGAATGTGAATACACAG
CGGGTGTCTATGATGATTGCGCTCTTTGTGTCAATTTGGGCAGTGAAGAAAGTCGTGTATTTGGATAACTGGA
AGACAGGTTATGGAATTCATGGATATTGGCCATCAAGTTGGAATTGATTCAGGAAGAGCGCCTTTGCTGTTT
GGCTATCTCTATATGTGAGAATTTCTCGTCCATGAACTGGTAGCTGTTGAAGTTAAATTTTGTGTTTTAACAT
ACGACTTTGGCCATTAGATGCTTCTCT

>trans_s_844 NM_001061687|Oryza sativa Japonica Group Os05g0306000 (Os05g0306000)
mRNA, complete cds

AAGAAACTTGGAGAATTTTCGTACAGTGGAAAGTATTTTTGTTTGATAATTTGCTTTAACAATAAGCATCTTCTTC
GGCTTCAAACGATCGGAGGAGGAAATTCCAGAGTGGAGCAATTGTAAGTAAAGATTTTGATTCCGGTGAAGAG
AATCAAGGTATAGGCGAAAATGGCTTCATGGAGGGTCTGGTGCCTATAACCAGGCATTCCTTGCTTCGTAC
TATGATAAGTACCCATTTGCGCCTCTATCTGACCATGTCTCTCGCTCTCGACTGAGATGCTCGCTCTGGCCAAC
AGTTTGCTTGATGAACTTCCGCCTACTTCAGAGGAAAGCACCTTCTTGATGAAGCAAACCAACATCCTCCTCA
TAAAATCGATGAGAATATGTGGAAGAATCGGGAAAACGTGGAAGAAATTCTCTTTCTGCTTGAAAAATCTCGT
TGGCCTCAAGAGGTTCAAAGGAGTCTGCAACTGGTAAATCTGAACTTGCTAATATTATAGGAAAGCTAGAA
GAAAAAGCTCGGAATGCCTTACATGTGTTGGTGGCTTTCCAATCGAAAAATTCTGAGCATGTGTTCAACACAG
TTATGACCTACATGCCTCAAGATTTCCGAGGAACGATAATTAGACAACAAAGAGAACGGTCAGAGAGAAACA
AGCAAGCAGAGGTTGATGCTTTGACTAATTCTGGAGGAAGCATACGTGATCGATATGCTCTTATGGAAACA
ACAAATGAGAGGAAAAGTGATAGCTACAAAGAGATTAGTGTTCAGCTGGGAAGACTTATGAGGTTTCGTTA
AGTGTGGAGTTTATCAATTCCTATATTGCCTGGGATTTCTCATTGGTTCAAGGCAAGATGAATATGGATATTGG
TTTCAGTGTGGAGTGTGAAAGTCTGGAGGAGTAAAGACGTTGATATTGCCTCACAACGTTACGAGTCTGAT
CAAGGAAACTTCTGCACTTGCATGGCTGGGGACTACAAGCTGATTTGGGATAACACATATTCAACTTTTTTTAA
GAAGGTTTTGCGCTATAAGGTTGACTGTATACCTCCCGTGGTAGAGCCGGTGCAACCTGCAGCAGAAGAAAT
AGTGTCTCCAGCCGCACTCTATTGTAGACAACAGTGTTTAGATTGGTACATATAAATTCACTTTCTATATAGTT
TCATCCTCTCGAAGAGTTTGATCGATCACTTCGTGAGATCCT

>trans_s_845 GU248528|Cucumis sativus cultivar 407 glutathione reductase mRNA, complete cds

AAGGAAGATGCTCATAGACGGTGAACAGTGCCACCAGGCTGAAGCGGAGGAACACTACGACTTTGATTTATT
CGTTATTGGAGCAGGGAGTGGTGGTGTTCGTGCTAGTAGATTTTCAGCTAGTCATGGAGCAAAGGTTGGCAT
CTGTGAACTTCCATTCGATCCAATCAGCTCAGAAGTAGTTGGAGGAATTGGCGGAACGTGTGTCAATTCGTGGC
TGTGTTCCAAAAAGATTCTAGTCTATGGGGCATCGTTTGGTCTGAGCTTCAGGATGCTCGAAGTTTTGGTTG
GGATGTGAATGAGAAAGTGGATTTTGATTGGAAGAACTTCTACAAAAGAAGACAGATGAGATAGTCCGATT

AAATGGAATTTACAAGCGTTTACTGACTAATTCGGGAGTAAAAATGTATGAAGGAGAGGGAAAGATTGTAGG
TCCACACGAAGTTGAGGTGACACAACCTTGATGGTACCAAAATATGTTATTCAGCAAAGCACATACTGATTGCA
ACTGGCAGTAGAGCGGTCATTCTGATATTCCTGGGAAGGAATTTGGGATAACATCTGATGAGGCTTTGAGTT
TAGAGGAATTGCCTAAGCGTGTTGTGGTGCTTGGAGGAGGGTACATTGCCGTTGAATTTGCTTCGATCTGGAA
TGGTATGGGTGCCAAAGTTGACCTATGTTTTAGAAGGGAACCTCCACTGAGAGGTTTCGATGATGAAATGAG
AGCAGTGGTTGCAAGGAACCTGGAAGCCAGAGGAATTAATATGCACCCAAGAACAATTTGACAGAATTGAT
AAAAACAGAGAACGGAATAAAAGTTATCACAGATCATGGCGAGGAGTTGTTGGCAGATGCTGTGTTGTTTGC
GACTGGTCGTGCTCCTAATTCAAAAAGATTAAATTTGAATGCAGTTGGTGTCGAAGTTGATAAACATGGTGCT
GTGAAGGTTGATGAGTATTCACGAACGACTGTACCTAGTATATGGGCTATTGGAGATGTTACTAATCGAATGA
ATCTTACACCTGTGGCTCTAATGGAGGGATCGTACTTTGCTAACACTGTTTTTGGTGGTGAACCTACCAACCA
GACTACAATTTTGTGCCCTATGCTGTATTCTGCATACCGCCTCTCTCTGTTGTGGGCCAAAGTGAAGAAGAAGC
TGTAGAGAAAGCGAAGGGTGACATTCTGGTGTACACGTCTTCGTTCAATC

>trans_s_846 NM_113709|Arabidopsis thaliana DEGP1 (DegP protease 1); serine-type
endopeptidase/ serine-type peptidase (DEGP1) mRNA, complete cds

ACCCACTTCCTTTTTCTCTCAAAGTCCATCTCTTTTACAATTTCCAATCCCGCCCGCCATTTAGATACCCAAT
CTTCTCTCTCTTACCAAAAATAAGAAACACTCTCAAATTTACCTTCAATTCATCTAAAACTCCCCATTCCCTCT
AACCCCTTTGCTTCAATTTGCGAATCGCTTCTTGTCTTCCACTTCGGTGCTCTTGTCTTTGCTCTTTTTGTTAC
AGATGTTGATCCGCGCGTTGCTTTTGTGTCACTACGCCGAGGAAATTGCAGACGGATGAGCTCGCTACAGTT
CGTCTTTTTCAGGAGAATACTCCTTCTGTTGTTTATATCACGAATCTTGCTGCTAGGCAGGATGCTTTTACTTTA
GACGTGCTGGAGGTACCACAGGGGTCCGTTCTGGATTTGTGTGGGATAAGGATGGTCATGTTGTACCAAT
TATCATGTTATTCGTGGTGCTTCTGATCTCAGAGTCACTCTAGCTGACCAAATACTTTTCGATGCGAAAGTTGTT
GGATTTGACCAAGACAAGGATGTTGCTGTCTTGAGTATCGATGCACCTAAAGACAAATAAGACCTATACCTG
TTGGTATATCAGCAGATTGCTTGTGGTCAAAGGTTTTTGTCTATTGGAAACCCTTTTGGACTGGATCATACT
CTTACAATACTGGTGTAAATCAGTGGCCTTCGGAGAGAAATTAGTTCTGCGGCTACTGGTAGGCCAATTCAAGATG
TCATACAGACAGATGCTGCCATTAATCCAGGAAACAGTGGAGGACCACTTCTTGATAGTTCCGGGGAACCTTAT
CGGAATAAATAACGGCAATATATTCTCCTTCTGGGGCGTCTCTGGTGTTGGATTTTCAATCCCTGTTGACACAG
TGAGTGGTATTGTTGATCAGTTGGTGCGATTTGGGAAGGTGACAAGACCAATTTAGGAATCAAGTTTGCTCC
CGATCAGTCTGTGCAACAGTTGGGTGTAAGCGGAGTGCTTGTCTTAGATGCTCCTGCTAATGGTCTCTGCTGAG
AAAGCTGGCCTGAAACCGACTAAGCGCGATGCTTATGGTAGACTTATATTGGGAGACATAATAACATCAGTG
AATGGGAAAAAGGTCACAAATGGAAGCGATTTGTATAGAATTCTTGACCAATGTAAAGTTGGTGATAAGGTG
ACTGTGGAGGTACTACGTGGTGATCACATGG

>trans_s_847 BT020344|Arabidopsis thaliana At4g08455 gene, complete cds

CTCACCAATTCCACTTCGAAAAAAAAACATTATTTGTTCTTTAAAACACAAATTGATTGATCTCTAGAGGCTAA
TCCTTCGTCATATCGCCATTTCTCTTTTCGACAGTTTCCGTTTCGATCAAAGCAACGATTAGGGAATTTTCACAGA
ATCCCCGCGCCGACGGCAAATCTCCGATGCAGCGCCCGCGGTGTTTGTGTCGTCGAGAGCCATTTCCGGACACAG
AAAGCGAGTCCGATCAAGAAATGATGAAGTGCTTGTCTGTCTGGAGGAATACCCATCACGCGAGGCCGGAA
CCTGCAAGGAGTGCTATGATGAAGCTAATGAGACTGAGGAAGAGCTCAAGCGTGAGATCGAGGACTTGAAA
GCCAAGGTCGCTTTCCTCAGGTTTTGGTCCCCTCTTGATCATCTTCATAACAGGTGCAATACTCCATGCTTTACG
GATGTCGTTTTGATCGCTCCAGCGATGGACCTGAGGGATACGCCGTGCCTCTCCCGCTCATAAAGCTGTCTT
GGTGAGTCGCTCCCAGTCTTCAGAGCTATGCTTGAGAATGAAATGGAAGAAAGTCGTAGTGGTACCATAAA
GATCAGTGATGTATCGTTTGATGCTCTCCGTGCCTTTGATAATTATTTGTACACTGCAGAAGCCTGTCTTGATG
AGCAAATGGCTTATGACCTTCTAGTTTTGGCTGAGAAGTACGAAGTGAAGCATTGAAGGCACATTGCGAGA

AGTTCCTAATATCAAACTGAACTGGGACAACCTCAATCATGAACTACGTATTTGCACACCAGCACAATGGCGT
GCATATGATTGATGCAGCTTTGTCAATGATTATTGACAACATGGACAAGCTTACCAAAAAGGAGGAGTACATG
GAACTCGTCGAGAAGGATCCACGGCCTGTCGTGGAAATCTACGAAGCTTACATGTCTAAACAGGTAAATACTG
CTGCTTGTAAGGATTGTTCTGTGAAATAAACTGAAGTAGATCTTATAGCCATTGTGATCTTTTTTCTTTTTGTG
TGGTGTGCGCTTGAATAACTGTTTTGGTACTTTGCTTTAAGATGAGCATGCACTTCAATAATACTCGGAATG
TATTGTTTTAAAAGAAAACAGAACAGAACGTAAATAAAATTTAACCCAATCGATCTAAATGGAAAATAGCTA
TGAGTTTTTTAAAAA

>trans_s_848 XM_002863756|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

TCGTGCTCAACGATCGTCTAGGAAAGAAGGTACGTGTGAAGTGCAACGAGGACGATACGATCGGAGACTTGA
AGAAGCTTGTAGCCGCTCAGACCGGAACCCGGGCTGAGAAAATCAGGATCCAGAAGTGGTATAACATCTATA
AGGATCATATCACTCTTAAGGATTACGAGATTACGACGGCATGGGGCTGGAAGTCTATTACAATTGATTACG
TATCGCTAACCGTTCATGAAATAGTTCTTAAATCTACAGAGAGAATCTCGGCATGGGGCTGGAAGTCTGTTAC
AATTGATCGTATTGCTTGCTGTTTTGTTATGGGTTGTGTTAAGGTTCTGGCTCTAAGACGATCAATCAGAG
ATTAATTTTCGATGGATGGATGGGGTGACGGTGGATGCCGCCGTATTGTGTAAATCGAAGTGCAGATACTTTG
TGGCATAAGGATCCCTTTCTGTTTCTTTTTCTATTTGAAATATGGTATTTCTCTGATGTATCGGCGTTTTCTC
TCTCTCCGAGGTATGGAGATCTATGGGCGTTCTCTCTGAGGTTTGAAATCCTATGAAAGACGCGTACCTG
TTTGTGGAATTACCTACTTTATGGATTACAATGGTAGCTCAAGTATTGGAAATTTCTTTGTGAAGGAGAATGG
GATAACATGAGAACTTATTTAAAGGAACCATATATTTGTTATGCTCATCTTAATTTCTTTAATTGACTCCTT
ATTGTAGGGGCTTCAACATTTCCCATATTCTCCAGGTCTTTAAATGAGCCAGAAATTTAATCTTAAGTTGATG
CTTAGTTGTTGTGTGGCTATGTCATGTGCTGCCGCCGTCTCATTGGGTTTTGTGCTTAAAGAGTGCAAGATT
CACGCATAATTTCCATTCCAAGTATAGATGGTTCATATAGTGAGATGTGAATTAGTATAGTTTCCTCATGGTG
ACAAATAGGAACACAACAGGTTCAAAGTAACTGGGGAATGCTGAGAGGAGACCGCCAAGCTAATCTGTGGC
AGAAGGGTTCAGGATGAGATTCTTGTTATTTTACTGACAATGAATCCATTTATTGTGAGTAAGATAACACAA
AATTTGCTATTTTTTGTGTCGAACTTTGCTATTTGATAAGAAGTCACTTTTTTATACCAAGGACACCGTCTACC
ATCTATTGGTCATCTGATGGGAGTAGCATCTCTC

>trans_s_849 XM_002313764|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHB901), mRNA

CAGGCATTGTGAAGGAATCTGAAAATTTAGAATCAAAATTGACATCAAATCCAGTTGAAACGTCGGGAGAAG
GAACTACTGTTGAAAAACCATTAGAATCAACGTTGTCATCAAATGATGTACATATGTCAGATTTGCAGCATGCT
GAAAAATCTGAGATTGAGAAACAAGTTCCACCTCATTCTGCCAAAACATCAAAAGAAGTAGATGATGAGACAA
AACGTTTATCATCTGGGGATGAGCCTCAACCAATAAGTTCTGCTAATTCTGTGAAAGAAGCCTCAAACGATGT
AGCTATGGTGTCCGATTCTCATGATAAGAATGAGGCTAGACAACTGAAACATCTAAATCTTTGGTTAACCAG
GGACCAACAAGGTCTCTGATTCTTTGCCCTCAGAAGAGAATGCGAGTACAGAACCAGTCAAACCAAATTCAG
CTGTTGAAAGAAGAGCAGATGATAATCAAAGCAAGGACAATAAAGAAGAAAACCTCAAACAGTACAGGTAAA
AAAGAAGAAAAGATTGATAAGCTGAAGTGTGCTGCGGTTACAGCACTGTCTGCAGCTGCAGTGAAGGCAAAA
ATACTGGCTAATCAGGAAGAGGACCAAATCCGTCAACTTGCCATGATCTTAATCGAAAAGCAGCTGCACAAGT
TGGAAGCAAGTTAGCATTCTTCAACGAGATGGATAATGTGACAATGAGAGTGAGGGAGCAACTAGACAGG
TCAAAGCAGAGGCTTTTCCAAGAACGTGCACAGATAATTGCCGCTCGACTCGGCCTACCTGCTTCGTCATCAC
GAGGTGTGGCACCGACGTTACCAGCAAATAGAATGGCCACGAACTTTCAAACCTCAGCCCCAAGGCCTCCAAT
GGGCATGACACCCCAAAGGCCACCGACTTCAGGTCCGCCGGGTATGGCTCCTACTAACCTAACCCCAATAT
GCGACCAGCAGTACAACAATTTCTGGAAGTTCAATTGCCCTGCGAATCAGGACACACTTTCTTCTGTTGGGAC
CAAGTAAACTCAACATTAGCTTGCAAGTTGAGATTGCAACCATTTCAATACAGTAGAATCACTTCAGTTTAC

TGTGTAACCTATTTGATTTTAATGTTGTATTATATTCAATCAACTAGGAACATTTTGAAATTTGGAAGGAAAAG
AAAATCCAATGTAGCTCACCTGACTTTGCAGTTCAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_850 NM_122911|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-
containing protein (AT5G35200) mRNA, complete cds

CACCATTTCGTAAGGAACAGGTTGCTGATAATAAACTGGCTGCCCTAAAGAAGTTTTGGCTATTGAGTACAAG
AAGGAACCAGCAGTGCAAGCAGAACAAACGGTGGCATCTCCGCCAGCCCGTCTCCCCACCACCTGAACCA
GTTAAAGTAGAACCAGTCGTGACTGAACAACCTGACTTGTGGGTTTGAACGATCCCGTACCTGAGGTTACTT
CCAATTTAGATGAGAAGAATTCTCTGGCGTTGGCTATTGTCCCAGTTGCCGATCAACAAACCAGTTCTGCTCCA
AGCCAAGTTAATGGTACTACAACCTACAGGCTGGGAATTGGCACTCGTCACGGCACCAAGCTCAAATGAAAGT
GTAGCTGCTACAAGCAAATTGGCTGGAGGGTTGGACTTGCTTACATTAGACAGCTTATATGACGATGCAATCA
GAAGAAACAATCAGAACGCGAGTTACAATCCATGGGAGCCAGTCCCAATGCATGGTGCCATGATGCAACAAC
AGCCAATCCACGATCCCTTTTTCGCCTCGTCTGCAGTGGCTGCCCTCATTCAGTACAAATGGCAGCTATGGCC
AACCAGCAGCAAGCTTTTCATGTTGCAGCAGCAGCAGCAACAAATGATGATGATGACCCACCACCTCAAC
AGTCAAATCCTTTTCGGAATCCTCATGGAACCAACCCCTACCAGTACGGTCCGGGTATGCCTATTCATGCTTCC
AATCCATATGGTCTCATTTAACATCATTCAAAGAATTTACTCTGATAGGGATGTTAATTGATCAATCATTCTGG
AATTTGGGGATTGATAAATATGGAGTATACAGATGTACAATATGTTGTGTATGTGCAGTAGTTAAGTTTAGGT
TAGGATGAGATTCTTTTGATAATAATTAGTGAGACAGGATTTTGATTGATTATTTGTGTCATGGAAAGATGGTA
ATAATGCTTTAGATACTTGGCAAAATTGGTGTATCCTGCAATTAACCGGAAATTTCAACTTTTTTTTTTCCA
TTTTCATTTTCATGTAAACTCTGTAAATCAGTATGTAGCAAATTTATTTAAACCCCACTTTGATATTTACCCTC
TAGGAATTGTTTTGGATTGTCATCTTTACCTCCCGAGAGGAAAAATTAATAAATAAAAGACAAGATTTGTAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_851 EF202176|Cucumis sativus aquaporin mRNA, complete cds

ACTGCTACTAAAGACAGAACCAACGTCTTCGTGAGCACAGATAAGTTTTTCCGAAATGGAAGGGAAGGAGGA
AGATGTTAGACTTGGAGCTAACAAATTCACGAGAGACAGCCGATTGGAACGGCGGCCAGAGTCAAGATGA
CGCTAAGGACTACAAGGAGCCACCGCCGGCCCGTTGTTTGAGCCAGAAGAGCTCACTTCATGGTCCTTCTAC
AGAGCTGGAATTGCGGAGTTTTTCGCTACTTTCCTCTCTCTACATCACCGTTTTGACCGTCATGGGTGTCGTC
CGGTCCAAGAATATTGAGGGGAACACGTGTAAGACAGTCGGAATTCAGGGTATTGCTTGGGCATTCGGCGGT
ATGATTTTTGCTCTGGTTTACTGTACTGCTGGAATTTCCGGTGGGCACATTAACCGGCGGTGACTTTCGGGCT
GTTTCTGGCGAGGAAGCTGTCGTTGACTAGGGCGATTTTCTACATGGTGATGCAGTGCCTTGGTGCCATCTGC
GGTGCTGGTGTGGTGAAGGGGTTCCAACCAAGCTCTACGACACCTCGGCGGCGGAGCTAACATTGTGAGC
GAGGGATACACAAAGGAGACGGCCTTGGCGCTGAGATTGTTGGTACTTTCATCCTTGTTTACACCGTCTTCTC
GGCCACCGATGCTAAACGTAGCGCCAGAGATTCACATGTTCCGATATTGGCACCATTCGCGGCTATATTTGCA
GTGTTCTTAGTTCACTTAGCCACCATTCGATAACGGGCACCGGCATCAACCCAGCCCGGAGCTTGGGAGCCG
CCATTATTTACAACAACGAGAAAGCATGGGATGATCACTGGATATTCTGGGTGGGACCTTTCATCGGCGCTGC
TCTTGACAGAGAGTGCCCAACCAAGTTGTAATCAGAGCCATCCCTTCAAGTCCAAGTGAAAATCTTATCTAAATC
CATGATGCTTCTTCAATCAATCACAGCCGTCCGATCCGAAAAGAAGAAAAAAGAAGGCTGTTTTCCCTTTTGT
GTTGTATTTTTTTTCTCTAATGGTTTTTAAATTTCACTTTGGGACCCAATTGGTAAGGGAGTGCAGTGTTAT
CTGTAATTATATGTGTGGCTATGAAGCTATGTAATGGTTAATTTCCCGAAAAAAGTGAATATGATA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_852 AF022461|Glycine max cytochrome P450 monooxygenase CYP82C1p (CYP82C1)
mRNA, complete cds

ACACCACACAAAAGGCTCCCACTAATGGAACTTTTGTTAGCTTTAGTATCCTCTCCCCATACTGGAGTTGGAAT
AGTGATTGCTATATTTCTCTTCGTACCGTTTGCCTATAACCTCTTCAGAATATTATCCAGTTCCCAACATGGGAA
GAAACTGCAGCCACCTGAGGCCGGTGGTGCCTGGCCGGTGATCGGTCATCTTCATCTACTAGGTGGGTGCGA
ACCACTACACAAAGTCTTAGCGGCTATGGCAGATGCTCATGGACCAATTTTACGTTGAAATTGGGAATGCAT
AGAGCAGTGTTGTAAGCAATTGGGAAATAGCAAAAGAGTGCTTTACTACAAACGATAGAATATTTGCATCCC
GCCCCAACTAACTGCCTCAAAGCTTCTAGGTTATAATAATTCCATGTTTGGGTTGAGCGAGTATGGTCCATAC
TGGCGCCACATGCGCAAAATAGCCGTGCATGGTCTCCTCGCGAGCCACTACATGAAGCAGCAGCTTCAACTCA
TCTTAGAATCGGAGATTCAGAGTTTCAAGTTGAAAATTATATGATTTATGGGCGAATCACACAAAAGAAGCGA
GCAAGTGTTATTATTGGTGGAAATGAATACGTGGTTTCAAGACATAACTCTCAACACCATGTTTAGGATGGTG
GTTGGAAAGCGATTCTCAACGGATTGGAAGACAGTAGAAATCAAGATTACCGAAAGGTGTTTCGGGATTTT
GTTAAATCTTTGGGGACTTTGTTCCATCGGATTCGTTTCCATTTTTGAGTTGGTTGGATTGTTGGGAGGATATGA
AAAGGCTATGAAGAAGACGAGTGAGGCGTTGGATGAGGTGTTTGATAATTGGATCAGAGAGAAGAAGAATA
ATTCAGGTGGCCATCACTAGATTTTATGACTTGATGCTTTCCGCTGTTGAAAAGGATGAAGAACTGTCCGA
CTACGATGGAGACTCGGTAGTAAAGCTAATTGTTTGGTATGTATAATCAAACAACACCATCCCTCCCTGTTA
TTTCTTCAAATATATATCAAACCTTCACTTTATATATCAATTAGTTAAACCATTTTACAACCAAGAGAATATCA
ATTCATAATTCTCTATTCTACCTTTGTATTATATTATATATGTACCCATTTTTTTGAATTATTATATTCTATTTAA
ATATCCAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_853 AY054683|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g18050; MRC8.3) mRNA,
complete cds

ATTCTTCATTCCCTCAACTTTGTCAGCCCCATTTTGCTTTTTCTTTGTTGTTGTTCTTCATCTTCTTCTCCCTC
CTCCTTTGCTTCCTTTTTTGTAAACCCACAAACCCAAAAATCTCACTCCAACTTCTATTCTTCAGCCATTACCTA
ACTTTACTCATTCTCTCTTTCTCACTACCCCACTTCTTCAATTTCTTTCCCTCATTCTCATTCTCTTCACCAATGT
CTTCAATCCCACAAATTTTTCTCATCTTCTCTCTGTTTTCTCTTTTTCCCTCGTTTTTCTCACTTCCCCATCCAG
ACCCACTTACAATCCGCCCATTTCAAGTAAACCAGTCGCCACCGGCTACTATTCCGGCGTTCCAGAACAAATCC
GATGTTGAGGGCTGCCATTAGACCTCCCCGACGAGCTTTTCCATGGGATTAAGACGGCTTGTTGGTCTTCAA
AAGGGGGTATCTCCGGGCAGCTCCATCGTAGCCGGTGCTGTCCGGTTTTGGCTGCTTGCTTTACGCTGCTTA
CTCAGCCACCGCATTGCAGAGGGCCGGTCGAGGTGGGGTGTTCGCGTCACACAGCGCCATCGTATGACCT
ACCCTTACTGCCGATGACTCCGAACTTGCCTCAGTAACTTGGATCAAGCTTTGAATCAAAAGGGTATTGAG
TTAATGAAGCCTAACGAGACTTGTGATGTGGTTATTGTTATTTGTGGGATCAGATTGCATCCTTTGAGCTGCC
CTGAAGCGTTTTCACTGAACCAAAATGGGATTCTTGAAGGAAATAGAAATGTGAAGAGATTGGAGAGAAATT
GCTTGAGTAGTGGCAATGTCAATGGATTTCCAGGCCTTGGTGGCTGTTCTAAATGCTTAAAAAGTCTTTATCAG
CTCAACAACAAGGAACTTTGAATTCAAGCAAACCAGAGAACAGGACCACCAAGATGCACCACAAGGAGTGT
CAACTAATGGGTCTAACATGGCTTCTTGCCAAGAACCGAACGCGTATATCCGCACCGTAACGTGAGTCTTC
GAGCTAAAATGATGACCGAAGATGGGTGAGATCCTCGGTGATGTACTCTCAACAGCGACGGGATGCCTTTGG
CTGTCGATTGCGCTGAGATCTCTGGCAGTTCTGTTCCAATCCCTACTCATACACTATTGTATCTTGGTCTAGTT
GGGCTGCTTTGATGTACAATCTGA

>trans_s_854 XM_002318603|Populus trichocarpa nucleobase ascorbate transporter, mRNA

AGTCATTTTCTGTGTGGTGATAGTGTGGATTTATGCTCACCTACTGACAGTAGGAGGGGCTTACAAAGGTTCA
CCACCTAAACACAATTAAGTTGCCGTACTGATCGCTCTGGGCTTATAGACAATGCTCCATGGATAAGACTTCC
ATATCCATTTCAATGGGGAGCACCTTCTTTGATGCCGGTGAAGCTTTTGCCATGATGATGGCATCATTTGTTG
CTTTAGTAGAGTCTCCGGTGCGTTTATTGCTACGTCCAGATATGCAAGCGCAACTCAGCTGCCACCTCTATT
CTAAGTCGTGGTGTGGCTGGCAGGGAGTTGGAATTCTGCTTTCTGGGCTGTTTGGAACTGTGAATGGATCCT

CGGTGTCTGTTGAAAATGCTGGTCTCCTAGCGTTGACCCGAGTTGGCAGTAGAAGGGTTGTGCAGATTCAGC
TGGATTCATGATATTCTTCTCAATTCTTGGGAAATTTGGAGCAGTCTTCGCATCCATTCCAGCCCCCATTGTTGC
CGCTCTGTACTGTCTTTTCTTTGCTTATGTGGGCATGGGAGGTTTAAGCTACCTCCAATTCTGTAACCTCAACAG
CTTCAGAACAAAGTTCGTATTAGGCTTCTCCATCTTCTGGGACTCTCTATACCACAATACTTCAACGAGTACAC
AGCCATTAATGGCTTTGGTCCAGTCCACACAAGAGCAAGATGGTTCAACGACATGGTCAACGTTCCATTCTCTT
CCGAGCCATTCGTTGCTGGAATCGTTGCATATTTTCTCGATAACACGATGCATAAAAAGGATGGTGCCATCAG
GAAAGACCGAGGCCAAACACTGGTGGGACAAGTTCCGATCGTTTAAGGGCGATACGAGGAGTGAAGAGTTCT
ACTCTCTGCCTTTCAACTTGAACAAATATTTCCCATCTGTGTGATTTGTGAGATCTTCTGTTAAATGCTGCTGCT
GCTGCTGCTGCTTCTTCATTCAAATGGGTCTGTGGAATTTAAAACGAGAAGATAGAGTCATTATCTTTTTTAAT
TTATTGCCAGTAACATCTGTATCTTCTTCTTCTCTATAGGATCACCTTAATTAATAACTTCATTTAATTGCTTCT
CTTTTGTATATCCAACGAAGAGGTGGATTTTCGATGTGTCTATGAAAAACAAATGTCCCTTCTATTTTTTCCCGAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_855 DQ205339|Brassica napus hairpin-induced 1-like protein NHL18B (HIN1) mRNA,
complete cds

CCTATAATCTCCTCTTAAACCACCACTCCCCATTCAACACAAACGCTATTTCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCGC
CGCCCGGAACAGCCATGGCCTACGACTGCGAGAAGCACTGCAAGAAGAAACGCAAGAAGCTCATCAAATAA
TCGGCGCAATCATCGGCATCTTCATCTTCTCTCGTCTCCTCACCATCCTCATCGTCTGGGCAGTCTCCGTCCCA
CCAAACCCACTTTCTTCTTCAAGACGTACCGTCTACGCCTTCAACGCCACCGTCCCCAGTTTCTCACCTCCA
ATTTCTCCTCACTATCTCCTCTCGCAACCCAAACCGCCGAATCGGAATCTACTACGACGAACTCCACGTCTATG
CCATCTACCGAAACCAACAGATCACTCTCCGGACCATCATCCCTCGCTTCTACCAAGGCCATAAGGACGTCAAC
GTATGGTCCCCTTTCTGTCTCCGGCACCTCCGTGCCGGTCGCGCCCTTCATCAGTTCGGCGCTGAATCAGGACAG
GAACGCCGGAGCACTGATGATCCTGGTCAAAATTGACGGCAAGGTTTCGATGGAAGGTCGGAAGCTTCATAAC
TGGGCGGTACCAATTCCACGCGAACTGCCCGGTGGTGATAAACTTCGGTGCGTATCCGGCGAACGGAGACGG
GTCGATGGTTCAGTATAACGTGAAGTACCAAGTGGTTCAGAGATGCGACGTTAGCGTTTGAGTTTTTCTAGAA
AAGCTAAAATTGGCTAAAAATATAAACGCCGTTAGTTAACGGTTTGTTTCATTTGGGTAAATGTGTTTTCTGTG
TGAATTTATTGTTAATATTGGAAAGTGTATACAAAAGGCACGAGCGGGTGTGCGAAAGGAAGCAAAAGAAA
AGGAAGGATTAGCCAAAAAGAAATGTGTTTAATAAATGAGATTAATTAGTGACAATGTTTGTTAATTATTCAC
TCATTTAGTGTCCATTTCTTTGTTTCTTCTACCATTTATCATTTATTACCATTGCTATTTTCTGTACCCATTTATT
TCTGGAAATATATTTATACATTTTTCTATTATNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCC
CCCCCAAAATTTAACAAACCCCCCAACCCCC

>trans_s_856 XM_002869006|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata La domain-containing protein,
mRNA

ATAAAAAAGGTATTAGTGCAAGTCCAAGTCCAAATCCAACCTCCAGCTGCAACTCCAACCCTAACTCCAACCTCCA
GTTGCAACTCCAACCCTAACTCCAACCTCATCGTCAAAAAGTCAATGAAGCGTAATGGTGCTGCCAGATCATACA
GTGGTGGTGTCTCTCAACAATCGGCAACTTCAGTTTCTACAATTGATACAACTCCTAGTAATCCTTCGTCTAAG
GACCACATGCAGAGGAATTCATTTGCCTCACAATCACGCAATGATCATAATTATCAACATCAACATCAACCTAA
TTCATTTAGGAGTCGTGGGTCTGGTTATCCACGTGGTGACAGTTCTCACCATCACAACCATGGCTCCAGGCGT
GATCAAGACCGTGGAACCATGATTGGAATCCCCATCGAAATTATGGACAGCCTCAGAGAGTTGTTCAAAGAT
ATATAAGGCCTCCCCCTCCCCCTAGTAATGCTACCTTTATTCCTTCATCTATGAGGCCTCTCGGGGGTCTATAC
CTTTCCATGAATTTGTGCCTCCGGTGGTATATGTTGGGGCTCCTCCTCAAGAGGCCCTTAGAAGTGTACCTTTT
GTGGCTCCAATGCCACCTAATGCAGTCTTTTTTCTGCTTCAGACCCTCAGTTATATGCTAGGATAGTCCATCAG

ATAGAATACTATTTACCGATGAGAACTTAGTAAAAAATACTTACTTGAAAAGGAACATGGATGAAGATGGAT
GGGTTCCAATTCATTTGGTTGCAGGCTTAAAAATGGTTGATCTCTGACTGACAATATCCCTGTGATATTGGAT
GCTTTGCGGTCAACATCCACTGTGGTAGAAGTACAGGGGGATAAGGTGAGGAGGCGAAATGATTATAGCAA
ATGGATAATGCTTCCTTCAACTCCAATTCTAACGATGTTGCCCCATTAAGCCCCGCTAACTCCAGTCAAGATTT
GCTGGCTGCTGGTGGTTCAGAATATTACGTTGGAGACTTATAACAGTACAGACGTTGCGGGAGATTTTAAAGTC
GAGGCTCTGCAAAGTAGATCACCTCGGAATTTCAATAGCCAGTCACAGCTCCCAGGTACAGGAAATCCAAATA
TTGGCGCAGTTTGGATCACTCCTTTTCTGCGAGGAAATAGACCTTGACATGATGAAGCCCATGCCTTTATGA
GTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_857 NM_001051946|Oryza sativa Japonica Group Os01g0951100 (Os01g0951100)
mRNA, complete cds

AGTGTTTATTTGTATAAAGCGCTCTGGAGTACACAGAAGTCTTGGAGTTCACATCTCTAAGGTTTTCTCAGTGA
AACTAGATAAATTGGACGGATGAGCAAGTCAATACTTTACGAGCATGGGTGGAAATATAGATGTAAACAGGA
AGTATGAAGCTGGCATCATCGATTTGAGCCGAAAACCGAAACCAGATTCTTGATAGAGGAGCGCTTTGATTT
TATAAGGAGAAAAGTATGAACTGCTACAATTTTATAACGCCAGTAGTAGTCAAAGTTCTAGTGATAATAACTCA
TTTAGTAAAAGAAGTTCATCATGCCACAAAGTAGTAACTCTTCAAGCAAGAATAGTAGCCACGACAAAAGAC
ACTATGAGAAACAAGCTACTAGGCATCGCATTGGCCATGCATTTCTGTAACAGTCGGGGAAGACGAGATGGTG
ACCACCACCACAAGAATTTTGAGAAGAGCAGCCTTGCACTCAAGACAAGCATCGGCAGGTATGGTTGAATT
TGTTGGCTTGATTAAGGTCAATGTGGTTAGAGGGACAAACCTAGCTGTCCGAGACGTGGTGACCAGCGATCC
CTATGTAATTCTCTCGTTAGGGCATCAATCTGTGAGGACTCGTGTCATAAAGAACAACCTAAACCCAGTTTGGA
ATGAGAGCCTAATGTTGTCGATTCTGAGCATATCCCTCCACTAAAAGTCTGAAATTGACATTCAACCATTGG
TCGCAGCGACCAAGGCGTATGAGAAAGTCCACAATTGATGAATCAATGCAGTTGGGAAAATGGGTGGCAAGTA
ATGACAATACTTTGGTAAAAGATGGAATCATTAACTTGTAGACGGAAAGGTCAGACAGGACATATCTCTTAG
ATTGCAGAATGTGGAAGAGGTATCCTCGAGATTGAACTAGAATGCATTCCTCTTACGCAATAGCAGCTGATG
CGTGGTGAAGTTATTGAAAATCATATCATTTTAGTTCCAAAAGAACTATTTTATATTAAGTCAATTTCTTTGTTG
GCTATGATGGAGGAGGGCACCTTCAAAATGGGCTTTTCATAGCAAGGGGAAAAAAAAAAGAGATAACGTTTCCT
TGTGTAGCTGTTGTATATTATTGATATTTGTGATGTGTAAATAAGATGTGGTGGAATATATGATAGATTAATCT
GCCCTTGTTTATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_858 XM_002319153|Populus trichocarpa cationic amino acid transporter (PtrCAT2),
mRNA

TCGAGAGATGGGTTACTGCCTTCTTTTTTTCGGATGTTAATAAAAAAACTCAAGTTCCTGTCAAGAGCACCAT
AGTAAGTGGTATTGGTGTGCTGCTGCTTGGCCTTTTTTCATGGATGTTTCAGATTTAGCAGGGATGGTTAGTGTT
GGTACTCTTTTTGCATTTGCCACAGTGGCTGTATCGGTGTTGATTCTCAGATATATTCCACCCAATGAGGTGCC
ATTGCCATCATCTCTTCATGAGTCATTTGATCCACTGTCCCTACCTATTCATACAAGCGCTGACGATGTTGATGG
ACAATATACTGAGAACAATTCTACAAAGGACAGTGCTAGACCCTTGCTTGCGAAAGTGGATTTCATCAGTTGAC
ATCCAATAATCGGCAGCTATCTCGCTCGACGTGGCTACGCTCTGAATGACAAGAATCGACGAAAATTTGCTG
GATGGGCCATCTTGTCACATGCGTTGGGGCACTACTACTTACCTACGCAGCTACAAATCTGCGCCTTCCAAGC
TATGTGCGATATTCAGTTAGTGGAAGTGGCGTTTTCTTCTTTTATCTGCTTTAGTTGTGCTGTCCTGCATAGAC
CAAGATGATGCAAGGCACAGCTTTGGATACACAGGAGGTTTCACCTGCCATTTGTTCTCTGCTACCAATTGT
GTGTATTCTCATCAACACCTACTTGCTCATCAATCTTGAGTTGGTACATGGGCTCGGGTGTGGTATGGCTAG
TGATTGGAGTGATTGTTTACATAGTCTATGGGCGAAATCACAGCACTCTACGAGATGCAATCTACGTGTCAAC
CGAACATGCCGAGAAAATAAACAATACTCGAGGGAGGTGCTGGTTTGATGATGAGGTTTGACAAAGAGTA
GAAAGGCAAAATGTTCTGTTGGTGATGCCATCAATGAGATGAAGTCCCGTATTATGAGGGATCTGATTGATGA

CAAGCTTTTCCACATGAAGGTTTCAAAGATTGTCGATTATTTTCTTACCATATTGTAATTTTATCCATGGAGACT
AATCTGTCTCCTTGATAATAGGGTTGGTTATATCAGCTTCTTTTTTCTTGTAGGGAGGAGGTTCAAGGCAAA
TAATGTAAATATTAAACACTTCTCATTGTTCTGAATCCATATCCATATACATATCACTATCTTTTGTACTAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_859 AY094062|Citrus reticulata R1 mRNA, complete cds

AGAAAGCACTTTAGTGGTAAATATGCCATTGTATCTGAGGAGTTCACAAGTGAAGTGGTTGGAGCAAAATCAC
GTAATATTTCTTATCTGAAAGGAAAAGTGCCGTCTTGGGTTGGGATCCCTACCTCAGTTGCCCTTCCATTTGGA
GTTTTGAGGAAGTTCTGTCTGATGAATCAAATAAGGCTGTGGCGGAAAAGGTTGATGATTTGAAGATTAAGT
TAGGAGCGGGGGAGTCCAGTGCTCTTAAGGAGATTTCGAAGACAGTTCTACAGCTGGCAGCACCCCTCAAT
TGGTGCTGGAGTTAAATCTAAGATGAAAAGTTCGGGAATGCCCTGGCCCGGTGATGAAGGTGAAGAGCGA
TGGGAGCAAGCATGGATGGCTATAAAGAAGGTGTGGGCTTCAAAGTGGAATGAGAGAGCTTACTTCAGCAC
GAGAAAGGTGAAATTAGATCACGACTATCTCTGCATGGCTGTCCTTGTTTCAGGAAATCATTAAATGCTGACTAT
GCATTTGTTATCCATACAACCAATCCATCTTCTGGAGACTCGTCTGAGATTTATGCAGAGGTTGTGAAAGGACT
CGGAGAACTCTTGTAGGAGCATATCCCGGGCGTGCTTTGAGCTTTATATGCAAGAAAAATGATTTAGATACT
CCCAAGGTTTTAGGTTACCCAAGCAAGCCCATCGGTCTGTTTCATCAGACGATCCATTATTTCCGATCTGATTCC
AATGGCGAGGACCTTGAAGGATATGCTGGGGCAGGTCTCTACGACAGTGACCGATGGACGAAGAAGAGAA
GGTTGTTCTAGATTACACAACAGATCCACTCATCGTGGACGACAACCTTTAGGAAGTCGATTCTCTCTAGCATTG
CTCGTGAGGAAATGCAATTGAGGAACTTTATGGATCTCCTCAAGACATAGAAGGTGTAATTAAGATGGGA
AAGTATATGTTGTCCAAACAAGACCCCAAATGTAATCCTCTCTCACTCTCCCTCTCTCTCTCTATTTATGACTT
TTCCTATGAAGAAAATGACTTATTAAGTCATATGCTGAAACAAAGGCAGTAAAAAAGTAATAGTTGTTGGT
GAAAGGTGAGACATTAATAGAGAATAAAAGTGATATCTTATTGCATTACAATTGAATGATAGTTGCTCAGTTT
GGTGAAGTAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_860 EU599222|Manihot esculenta aquaporin (AQP) gene, complete cds

TACCAAACCTACCTTTACACACTAACCAACGCAACAAAAACCTCCCTCTCGAATTTCCGCCGTTCCCTCGCCGG
GATTTTCATAACAATGTCCAAAGAAGTGACGGAAGAGGGACAGTCCGGCCTCAGAAAGGACTACGTCGACCCA
CCCCCGGCTCCACTCATCGACGTCGCCGAACCTACCCTCTGGTCTTCTACAGAGCCCTTATCGCTGAGTTCATC
GCCACTCTCCTCTTTCTCTACGTCACAATCGCCACCGTCATCGGCAACAACAAACAGACCAAAATGTGTGATGG
CGTTGGAATCCTCGGAATCGCCTGGGCCTTCGGTGGCATGATCTTCGTCCTCGTCTACTGCACCGCCGGAATCT
CCGGTGGTCATATTAATCCAGCGGTGACATTCGGGTTGTTCTTGCGAGGAAAGTGTGCTGATCAGAGCGTT
TGGGTACATGGTGGCGCAGTGCGCCGGAGCCATTGTTGGCGTTGGGTTAGTCAAGGCTTTCATGAAGCATGA
TTATAACAACAACGGCGGCGGAGCCAACGCCGTTAATTCTGGTTACAGTAGAGGAACAGCTCTTGGTGCTGA
GATTATTGGAACTTTCGTTCTTGTTTACACTGTCTTCTCCGCTACTGATCCCAAGAGGAGCGCGCGTGATTCTCA
CATTCTGTTTTAGCTCCATTGCCAATTGGGTTTCGCCGTGTTTCATGGTTCAATTTAGCAACCATTTCCATTACAGG
AACCGGAATCAACCCGGCCAGAAGCTTCGGCGCGCGCCGTCTCTACAACCGTGAAAAACCTGGAATGACCA
CTGGATCTTCTGGGTGGGTCCGTTTCGTCGGAGCATTAGCGGCGGCAGCGTACCACAGTACATTCTCCGGGCA
GCCGCCATTAAAGCTTTGGGATCATTCCGCAGCAACCCCACTGAGAAGGAAGAAGATGATGATAGAAG
TGGAGCATGTTTTAGAAATTATTATTATTTGTGTGGTTATGTGTGATGATGAATGAGATTATGAGGAGG
ATGAAGGGAAGGGATTGTCTTTGAATGTTTTAATTTTATTTAATTTTATAATCTTTTGTGTTTGTGTTTATTTT
TGGCTGTGTAATATTATGATTATCTTTCTTTTATTATTATAAGACAATTTGGCCTTCAATTTTCTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTTGT

>trans_s_861 AY159561|Vitis vinifera submergence induced protein 2-like (SIP) mRNA, partial cds

>trans_s_862 NM_126156|Arabidopsis thaliana ATARLA1D (ADP-ribosylation factor-like A1D); GTP binding (ATARLA1D) mRNA, complete cds

>trans_s_863 NM_203039|Arabidopsis thaliana protein homodimerization (AT5G11950) mRNA,
complete cds

TTTTAGAAGGATTTTTGAAGTGATTTGACTCGGGAAATTGAAGGGTAGTTTTCTTTTATCTGTTTTAATTCTGA
ATTCTCAGGTTTAATTTGATTAATTAATTACACTGTGATTATGATGATTGATTGTGATTGGCAAGAAAATGGAG
ATGGGAATTAGAAGAAAAAGGTAATGGAGCCATGTGGGCTGCTCTTGCTTTGTTATATAAAGGCCCCCATTGC
CATCTTCTGCCTTTCCCAATTCTAATCCCATTTTTGTTGAAGATCATACCCTCTTCTTGTTGTCTTTTTTCGGTAA

TGGTCCTGAAATTCTCTTTTGTGTTTCTCCTTTTTTGGGAAGAGTTTCAGTTCTTCCTCACCATTAAAAGGG
GTATTTATTATATATACACTCTGCAGAAGATACTGCTGCTTCTGCTTTTCTTTTTCCACATACCCTTTTGTTA
GTTTTTGCTTTTCCCAATGTTTCTTTTGAATTATAATAAGGAACACTTGGGATTGTGAATGGAAGAGAGTAA
TTCAAAGAGCAAGTTCAAGAGGGTTGTGTCTTCTGCGGCAGCAACTCGGGTCATCGAAAAGTTTTAGCGAT
GCTGCACTTGATTTGGGAAATGAATTGGTGGAGAGGAAGATTGATTTGGTGTACGGTGGAGGAAGTGTTGG
GTTGATGGGATTGATATCCCAAAGTGTATACGATGGAGGCTGCCATGTCCTTGGGGTCATTCCAAAAGCTCTG
ATGCCTCATGAGATTTCTGGACAACTGTTGGGGAGGTAAGAAGAGTTTGGACATGCATGAGCGCAAAGCT
GCCATGGCTCGAGAATCAGACGCTTTTATTGCTCTTCTGGAGGATATGGGACGATGGAAGAGCTGTTAGAA
ATGATAACGTGGGCCCAACTCGGTATCCACAAGAAACAGTTGGCCTGCTTAATGTTGATGGTTACTACAAC
CTTTGTTGGCACTATTTGATAACGGCGTCATTGAAGGTTTCATTAAACCCGTTGCTCGAGAAATTGTGATATCT
GCTCCAACAGCAAAGGAACTAATGGAAAAAATGGAGGAACATACTCCTTCCGTGAACATGTTGCTCCTCACA
AAAGCTGGGAAATGGAACACCTTGGTGATTATCCGAGCCATGAACTAAACCATGACAGATAAATGTTAATG
GGACTTCCCTTGAGATTGGACTGTGACTCCA

>trans_s_864 NM_001061905 | *Oryza sativa* Japonica Group Os05g0373900 (Os05g0373900)
mRNA, complete cds

CAGCCGCATCCGCTAGCCAACTTCAATCTCTCTCCGATCTCTCTTGCCGACGCCAGTATTCTTCACGAGCTTAAT
CCCTATCTGGAGGCCGGCACCAGCTCTCTCTCACCAACTCCAATCGCGGCGGCATCATTCTCTCTCCACCACCC
ATCCCGCCGCGCAGTATTTTCGTTTATTACGATGGCTGATGCTCATGAACTGATAAGAACATTGAAATATG
GAAAATTAAGAAGTTGATTAAAGCACTTGAAGCTGCAAGAGGTAATGGGACTAGCATGATCTCTCTCATCATG
CCTCCGCGTGATCAAAATTTCTCGTGTACTAAGATGCTTGGCGATGAATTTGGAAGTCTTGAATATTAAGAG
CAGGGTGAATCGCCAATCTGTTTTGGGCGCTATCACATCTGCTCAGCAGAGACTCAAGCTGTATAACAAGGTT
CCTCCAAATGGGCTTGTTGTATACTGGGACAATCGAGACTGAAGATGGAAAAGAAAAGAAAGTCACTATT
GATTTTGAGCCTTACAGGCCTATAAATGCATCTCTTTATCTTTGAGACAACAAGTTTCACACGGAAGCACTGAA
TGAATTGCTAGAATCTGATGACAAGTTTGGCTTCATTGTCATGGATGGTAATGGGACACTCTTTGGCACATTG
AGTGGTAACACACGTGAAGTCCTTCACAAATTTAGTGTGACCTTCCTAAGAAACATGGAAGAAGAGGTCAC
CAGCACTTAGGTTTGCTCGTCTTCGGATGGAAAATCGGCACAACATATGTGAGGAACACAGCACACCTTGCAAC
CCACTTCTTTATTAATCCTGCCACTAGTCAACCAATGTTGCCGATTGATACTGGCTGGATCAGCTGACTTCAA
AACCGAGCTCAGTCAATCCGACATGTTTGATCCTCGACTTCCGGCCAAAATACTTACATGTTGTCAATGTCTCCT
ATGGACGGGAAAATGGATTCAATCCGGCCATAGAATTGTCATCCGAAATCTTATCTAATGTGAAATTCATACA
GGAGAAGCGCTTGATTGGAAAATACTTTGAAGAGATTAGCCACGACACAGGGCAAATATGTTTTTGGTGTTG
ACGACACACTGAAAGCTCTGGAGATGGGTGCTGTGGAATACTCATTGTTTGAAAAATTTGGATATCCATAA
GTACGTATTAAAAAATGCTTCCACCGCTGACATT

>trans_s_865 AF064064 | *Arabidopsis thaliana* cultivar Columbia flavanone 3-hydroxylase (F3H)
gene, complete cds

ATAGCTCATTTGTAGCATTTAAGGTCAGCAGCATACTCCAGCGTAGCCATGGCCACTTTTACTGAGGATGAAAT
TCCGGTCATTTCCCTTGCCGGAATCGACGACGATGCCACATGGCCGCGGTGAAGAAGAAGATCGTGGAGGC
CTGCGAAGTGTTGGGAATATTCCAGGTGGTTGACCACGGTGTTGACCCAAACTTATTGACGACATGATTCGT
CTCACCACCGAATTCTACTATTTGCCACCGGAAGAGAAGCTCCGATTCGACATGTCGGGCGGCAAGAAGGGC
GGATTCATGATCTCTACTCGACGAAAGGGAGACGTAGAAGATTGGAGGGAAGTGGTAACGTTCTTTACATAT
CCGAGTAGAGATCGAAGGTACTCGGAATGGCCGGACAAGCCGGAGGGTTGGATCAAGACGACGGAAGAATT
CAGTGAAGAAGTTGATGGATTTGGCTTCCAAAATATTGGAAGTGTTGTCGGAAGCCATGGATTTGGAGAAGGG
AGCTCTTAAGGAAGCTTGTGGAGAGTTGAATCAAAAGATTTTGACCAATTTTACCCCAAATGTTCCAACCTCCG

ACCTCGAACTCGGCCTCCCTCGTCACACCGACCCTGGAACCATTACTATATTACTACAGGATCAAGTGGGTGGT
CTTCAAGCAACCAAGATGGGGCCAATTCATGGATCAACATCCCACCCATGAAAGGAGCTTTTGTAAATCAACA
TTGGAGACCATGGTCATTATCTTAGCAATGGAAGGTTCAAGAGTGCGGATCATAGGGCATTGGCAAACGCAA
AGAGTGACAGATTGTCGATAGCTACGTTTCAGTATCCAACACCAGAAGCCATTGTTTATCCATTAAGGTTGGT
GAAGGGGAAAAGGCAGTGATTGAGAATCCCATAAGCTTTGCAGAGATGTACAAGAAAAAGATGAGCAATGA
ACCTGTTCTTACAATGTTTAATCATAAAGGACACAACAAAATCAATCCTTCTACTTAATTTATCCTACTTTAGTTA
TAACTATGTTCTAGACCCAACCTTTTTATTTAGTTATATACGTCTCTTATATTTATGGCTGTTTTAGTTATCATTTTT
TTTCATCATATTGTGATCATGAAAGCTTTCCTTTCTCTTTTGTGTATTTTAATTTATTTCAATAAACTATTT
TCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_866 Z25855|F.pringlei mRNA for H subunit of glycine decarboxylase multi-enzyme
complex

AGAGCAAATCAAACAAAAAAAAAGAAAAGAAGAAGTAGCTATGGCTCTTAGAATGTGGGCTTCTTCTAC
TGCTAATGCACTCAAACCTCTTCTTCATCTAAAACCCATCTCTCTCCTTCATTCTCTCTCCAGATGCTTCTCTA
CTGTTTTGGATGGGCTGAATGTCGCTTCGTACATGAGTGGGTGAAGCATGAAGGCTCTGTTGCTACCGTTGG
CATCACTGACCATGCTCAGGATCATCTGGGAGAAGTGGTGTGTTGTGGATCTGCCAGAATCAGGCAGTTCAGTT
TCTCAAGGTAAGAGCTTTGGAGCAGTGGAGAGTGTGAAAGCAACTAGTGATATCAACTCCCCAATCTCTGGTG
AGATTGTTGAAGTTAACCCGCAGCTTAAGGAACTCCTGGTTTGATCAATTCAAGTCCATATGAAGGGGGATG
GATGATAAAAGTGAAGCCAAGCAATCCAGGTGAATTAGATTCTTGTCTGGTCCAAAGGAATATACAAAGTTT
TGTGAGGAAGAAGATGCAGCCCACTAAAGCTGAACAAACAAATGTTTCATCTCCAAACAGAGCTTAAGCTAAT
TTCTTTTCAAAGCTGCTTGAATTGTTGACATATCACAAGCTATTTCTATGAAGAAAGAGAGCCAAATAATAAT
TACAAGTCCATTGTGAGTTGAAATGTGCCTAAGCATCTGAACTACATTCTTCTTCAATGTTTATTCCACTTGAA
ATTAATTGAATTTCTATGCCTTATTTTAGCCGTTAACTCTTGAATGTGCTGAATTTGATTGAATTCATGATACTC
CTAACTTTTGAGTTCGATATCTATTTGGTTGGTCTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
GGGCCCCCCCCCCCCCAAACTTTATCAACCCCCCAACCCCGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCA
AAAGGGGGCCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTAAACCGCCGGGAGGGGAAAAACCCGGGGTTAC
CCCAATTAACCCCTTGGAACCAATCCCCCTTTCCCCAGGGGGGAAAAACAAAAAGCCCCCCCCCAATCCC
CTTCCCCAACATTTCCAACCCGAAAGGGAAAAG

>trans_s_867 BT026494|Arabidopsis thaliana At4g03030 mRNA, complete cds

TACTGTTTTGCTTCTTCTGTTCTTCCTTCAGTACAGGGAAGGGAAGGGAAAGGGAAGAAAGGGAAATGAAAT
TTCTTCCTCAATCCTATTCTCCATTGATGAAAATCAAACCTCCGTTACTCTAATCCCAGGTCTCCCCAACGATGT
TGCTCTTTACTCCTTTCTTTCTCCCTTATTTCCACCATGATCGTCTCAAATCCACCTGTAAATCATGGCGTCTCTT
CTTCTCTTCTAAAATCCTTATTTCCCTTCGATTCACTCACACAAATTCTCTCTCTCACCTTCTCTGCTTTTTCCCTCA
AGACCCTTTAATCGCTTCCCCTTTCTTTTCGATCCATTTTCCCTTTCATGGTGTCTCTTCTCCTATGCCTTGTA
ACCCCATGTTTACGGTCTCTGCAATTTACCCCTATTTCCCTTGGCCCTTACTTGATGTCATCGGCGGCTCACT
CTTTGACACTCGCTCTTTCCAATCGATCGTCCTTCTCTCTCTTCTGCTTTCCGATTGATTTCCATTCTCTCT
TTTGGGAACCCATCTCGCCGATGCTCTCTCCGCGGGGGAGCTTTGCGTGTGCTTCCGTTTCATGATTCCGGTCAG
ATTTTGGTTGCTGGAGGTGGGTCTAGGCACAGGTTGTTTGCAGCGGCTGGGAGTCAATGAGCTCCGTCGAA
AGGTATGATGTGGAGAGAGATGAGTGGATTGCACTTGATGGGATGCCGAGCCTTAGAGCTGGGTGTGTTGG
GTTTTTTTGTGGGAATGGAGAGAAGAGAGAGTTTTGGGTGATGGGTGGCTATGGTGAATCCAGGACTATTT
CAGGAGTGTTTCTGTAGATGAATATTACAGAGATGCGGTGGTGATGGAGCTGATGAATGGGAGGTGGAGG
CAAATTGGGGATATGTGGGAAGAAGGGGAAAGGAGGAGGCTAGGTAAAATCGTAGTGATTGAGAATCATCA

TAACTATGGACAACCTGGAATTTTCATGCTTGATGGTGAATTCCTCAGATATGAAATGGCATCAAATAGAT
GGGTTGAAGAATCAAGACTACCAAGGAAAACCTCTTCCAACATCATATGGCTTGGTTGCATTAAATGGAGA
ATTGTATGTTATATCATTTCTAAAGACAGAGTCAGCTGAAGCTCGTANGCTACGTCATCCCAAGAAAGGAGGA
TCAATGTACATGCAAACTCTACAA

>trans_s_868 NM_179519|Arabidopsis thaliana AAR2 protein family (AT1G66510) mRNA,
complete cds

AAAATTAAGAACTTTCCCGTCCATTGCCTTCTTTTATTTCTCACTCTCAGGAGAGATCCCGATCAGCGAAGAAAT
CACCGAGCTACCCCATCATTTTTTTGGAAAGACAAGAGGAATTGAACTCCAATTTTCTTTCTATAGTGTGT
TCTGAAGTTGAAATGGATCCTGAAACTGCCCTAGAGCTTGTAAGCATGGTGTGACAATTCTCCTCCTCGATGT
TCCTCAGTACACCCTCGTTGGAATTGATACTCAGATGTTCTCTGCAGGGCCTTCTTTTAAGGGTATAAAGATGA
TTCCTCCAGGGCCTCATTTCTTTATTACAGCTCATCGAGCAGAGATGGCAGAGAGTTTTACCAATTACTGGC
TTTTTTGTAGACGCTGGTCCCTCTGAGGTTATTGTTGCGAGGTGGGATCAGAGGGAGGAGCGCCTGATAAAA
GTATTAGAAGAAGAGGAGGAGCGATTTAGGGAAGCAATTAGAAGATTGGAGTTTGACAGACAACCTTGGTCC
GTATAATCTGGGTCAATATGGAGAATGGAAGCGTATATCTAACCACATCAACAGTACTACAATTGAACGACTA
GAACCCATAGGAGGTGACATTACTGTGGTGTGCGAACCTGGAATTTCTCAGAGCACTTCCAAGTCAGCAGTAG
AGAAAGTTCTGGAGGATCAGTTGAAGGCTAGTAAGTTGCGAACACCTGTTGATTCATCTCAGAGAAGAGGAT
GCTATTACACAAAAATTCCCATGTTATCAAACAGAGGAGTCCATGGGCAGGAGCTTACTTATTTAAATCTCGA
TAAGACCTTACTACTAGAAAACCTACTGAAAGAATATTTTGGAGGTTGAGAGGACCTACTTCTGGGGAGCTA
CAGTTTGCATTGTTGTCTTTTGTATGGGACAATCACTTGAAGGATTTCTACAGTGGAAATCACTAGTTACCTT
GTTTTTGTAGTGACAGAAGCTCCTTTTGCACAAGGAGTCACTATTTACAAAGTTCATTAAGGTTATCTACC
ATCAATCGAAATTTGGATTAGAGAAAGATCGTTCTAATGATAAAGCAGGGTCATCATCAATATTGATAGACGA
ATCATGGTTTTCTGCTGATAGTTTCTTACATCATTTATGTAAGGATTTCTTCTCATTGGTGCTAGAGGCTCCGGT
TGTTGATGGGGATCTTCTGACATGGACAAGGA

>trans_s_869 AJ619691|Medicago truncatula rhoGDI1 gene for Rho GDP dissociation inhibitor 1

ACTGTTTTCAAATACAAATACAAATCGCCAAAATAGACAAAAGCGAGAGAGAAAGGGGACAGAATGTTTCA
TTGAGAGTACAAATGGGTACAATTCCGCTGCCCAAATTTGAATCCCAAACCATTTATTCCACTATTTCTTCAGC
TTTTCCACATCTTTAAACCCAAAACCTCTGTTTTTGTAAAGGGATTTCTCGCAATCAGTGCGATGGAGGTTG
GGAAGACGCTTGAGGAGGAAGCAGGGCCGTCGTCGCCGAAAAGTTGACGAGTTCCGGCGGGAAAAGGA
GAGTGAGGAATCAGAGGTTGATGATAAAGATGGGTTCACTCCAGGGCCTCTGCTTTCACTCAAGGAACAGCT
TGAGAAGGACAAGGATGATGAAAGCCTGAGAAGGTGGAAGAAAAGTTGCTTGGCTGCTTAGAAAGTGATC
TGAGCGAACAAAGAGAACCTGAAGTCAAGTTTCATTCCATTGGAATTATCTCTGATGAATTTGGGGAAGTCGA
CACTCCATTGCCGTAAATGAAAATGAAAGTGGTCGTGTTCTTTTACCCTTCAAGAGGGATCTCGGTATCAAC
TGAGGTTGACGTTTACAGTTACGCATAACATCGTCTCTGGCCTGTCCTACTCAAACAAAGTTTGGAGAGGAGG
ATTGATAGATCGAACTCAAGGAATGTTAGGTACTTTTGTCTCTCAACGTGAACCATATGTCGAAACCTTGGAG
GAGGAAATCACTCCTTCTGGTGTACTTGCAAGGGGTATTTATTCTGCGAATCTTAAGTTGGAAGATGATGACA
AACGGTGTTACATGGAACCTCCATATTCCTTTGAGATAAAAAAAGCAGTTAGCTCAGTGTTACATGGAACCTC
CATATTCCTTCGAGATAAGAAAAAGCAGTTAGCTGAGCCAACATCGAGTCGATGTGTCTTTATTGCCATCTTGC
TAGGACTATTCTGCCTTTTAAAGTCCATTGCGTTTCTCTCATGAACTCTGATAATCTCTCTTACTTGATCCACAGT
TGAAATGTGTAATTGGGTTTATGGTTTTCCATATTTATTTGTACCAACTCCAAAAACCTCTCCGAAACCAAAA
TTTGAAACTTGAAAGCTATGGAATTGTTTTGACGATGGAAATGTAAACTTTTATAGCCAGCTATGAGCATCTC
TTTCCCTCCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_870 NM_001035763|Arabidopsis thaliana zinc finger (CCCH-type) family protein / RNA recognition motif (RRM)-containing protein (AT3G51950) mRNA, complete cds

CGGACATTCTGATGACAGTGGAAAGTAGTAGACACCTCGGATATCTCTGAGAGAGAATGGAGCTGCGCCCGTGAAGAACCTCCGCCTGTGTCTGGTCATGGCGACATCTACTGATATGCCACGACAGGCATCACCGGTCGATAACGGAGCCTTAGCAACAATTGGACAAGGTGGGAACGACAAGGAGAGATCTCAGATTGATGACAGTGATTACTTGAATGTTTTGAGCACAAATCTCCCTGATAGTCTTTTCGCATCTCTCTGCAAAAGCCACGGGCGACTACGCAACCAACTTCTCGACATAGCAGCAGTGGGGGAAGCAGCAAACGACTCCGATGACGCATCATCCTCAATTCTCACATCAACTTCTCTCTGGAAGTAGCAACATCCTTCAAATCCTACAATTGCCAGATACCAAGGTTCCCATCCGGCCACAGCCCGATCGGAATGTATGCAGGAACGGGCGGGCCGACATGTCCAGTGGGAATTTAGCATCCAAAGCAACAGCAGCAGGTACTGTTTGTTGAAATGATTTCCCCATTGAAAAAAAAAAGGCAAATGGGGGTGTTTTAACAAATCATGTTTGGTCAATTCCAGGAAGGAAATAAATATTAAGGAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAGTGAATTAACCAAAACAAAGAAGTACTATATGAAAAAAAAAAACAATATCTATAGAGAATCAGCAGAAGAAGCAGAAGCAGTAGCTCCACAAAGGCTCCATCATCAACAGTACAAAGAGGGGAAAAAAAAAAGAGAAGCATATATATAAGAGGAAAAAAAAATGGGGTCACCCATTTTTTTTTTATTATCATCATTATTTTTTATTTTCTTCTTTGATGTTAATTGTTGTTGTTGTAGTAGAAGAGAGCAGTAGGTCAAAACCCATCTTCTATCTCTTTTAGTGTTAAAAGAAATTTGAATATATAGGTTTAAAGTAAAAAAAAAAAAGGACACACAGAAAGAAAGAGTTTTTTTTTTCTTTTTCTTTTTCACAGAGTACTTAAATGTGTAGTAGTAAGGAAAAAAAAAGTGGTAGGGGATGAAGAGAAGGAAGAAGATGATGATGATGATTGGAGTGTGGGGGACTGTAATATTCAATTTTAATTTGATTTTCTCTAATACTTTTCTTAATTATATTAATACTTCAACTTTTATGTTCTATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_871 XM_002880176|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata reticulon family protein, mRNA

[illegible]

>trans s_872 AY108970|Zea mays PCO099268 mRNA sequence

TGTCCTTTTCGGACTTCGATGCACAAAAATATCTTCATCCTTGAAGCAGGTTCTGCAGTAGAAGATAACTGCCGG
AGGTACCGTTTCCTTATCCGTTCCCGCCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAACATTGCCCTCAAAAACCTACCTA
GAGAAAAAAAATATGCAGACCTTATTCTGCTCCCATCTTCATCTTCTTCCCTTGCCATTTTCAAGCTCAACCAA
AATCCTCTTCTCCCCATCTTGTTTCTACACCGCGTTTAACCCCTCAAAAAGAAGACCCGCTTCCACCACTCGAGCA

CTTCTCTCAGCTCATAGAGAATCAGTTCTGAAGGATTTTCAGGAGCGACGAGCTCTCAAGATTATTTTCAGGCCT
GCAGAACCTTGACAGGGAAAAATGTGGCATCTGTAGTCACCGCAGCAGACAAGGGGGGAGCGACTCATGTCTG
ATATAGCATGCGATGCAGAGTTAGTGAAGCTTGCCATTAGTTTAACTTCTCTTCCAGTTTGTGTTTCTTCTGTGG
ATCCAGCAGAATTCTTACCTGCTGTTGAAGCTGGAGCATTAAATGGTAGAAATTGGAACTATGATTCATTTTAT
GAGGCGGGAATAATTTTCTCTGCAGATCAGATATTAATCTAACAAAAGAGACTAGGAGGTTACTGCCATCTG
TGGCCTTGTCGTCACCGTGCCCCACACACTTGGACTTCTGATCAGGTCAAGCTGGCAGAGTTGCTGGAACA
GGAAGGTGTGCGATGTTATACAACTGAAGGAGGAAAAATGCTCTCATCCTTCAAAATCTGGCATCCTCGGCTTG
ATCGAGAAGGCAGCGCTACACTAGCAGCTGCGTATTCAATCTCAAGGGCTGTTAAGATTCCCGTTATGTGTT
CGTCTGGATTAAGTGCTGTCACTGCACCAATGGCTATCACAGCTGGAGCTGCAGGCGTGGGCGTGGGATCAG
CAGTTAACAAGCTCAATGATGTCTGATCGATGATTGCAGAGGTTAGGAGCATTGCTGATTCTTTAACACCATC
AGCTGCCCAGCTAAGCAGACCCAATAGCGCGTTTTTGAATTTGTAGATTTATGGTTCTCTTGTGCATATGCGAA
TATTAGCTTGCTTTGCCAGCGCACGGTAGGAAACATTTGCCTTAAATAAGATCCCTTCATTGGCTTTCCCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_873 AF078082|Phaseolus vulgaris receptor-like protein kinase homolog RK20-1 mRNA,
complete cds

ATAAGGGGAAGCTTCAAACGGACGAATCCGTAGCGGTGAAAAGGCTGTCTCAAGCTTCAGGACAGGGAGA
TGTTGAGTTTAAGAACGAACTCCTTTTGGTTTCTAAGCTTCACCATCGGAATTTGGTTAAGCTTTTGGGTTTCCC
CCTCCAAGAAAAATGAAAAGGGTCTCGTTTATGAATTTTGGCCCATGGAAGCCTTCCCCATTTCATTTTCGATCC
ACTCAAGCGTCAAAGTTTAGATTGGGCAACTCGGTACAAAATTATATGAGGCATTACTCGAGGACTTACTTAT
CTTCATGAAGATTCTCGAATCAAAATTATTCATCGAAACCTAAAAGCCAGCAACATTTTATTAGATATAGAGAT
GAATGCTAAAATTTAGATTTTGGTATTGCAAAGCTATTTGCATCCGAACAAACACAAGGTGATACAAGTACG
ATCAAGGGCACTTCGGGGTATATGGCTCCCGAATACGCAAGGCATGGACATCTTTCCTCAAAGTCAGACGTTT
TTAGCTTCGGTGTTTTAGTTTTAGAGATTGTGACCAGACAAAGAAATAACCGAACTTGCAACAACATTGAGAA
CATACAACACCCTCTTATAAGCTATGCCTGGAGAAATTGGAGGGAGGGAACACCATTGAATATTGTAGATCCT
TCTATTGAGATACAAAAGGAAGTAGAAAAATGAAGTGACAAGAATCATTATGTGCGGGTACTATGCATTCAAG
AAAAGTTGACGAAAGGCCAAAAATGACTACTGTACTTCTTATGGTCAACGGTGACTTAACTGATTTTCTTAA
CCTTCCAGCCATCTTTCTTTATGAATGCAAGTACCCAACAAATGCTCTTAGCCAAAGATTATCCACATATCA
CAATGGTATATGGAGAAATTGGCGATCAGGAAATGAACTAGATGTTATTGACTCTTATTTGAAAAGTGATTCA
AGAATTGAAATGGCCTAGATGCATTCCTGTTGGGATTGCTGTGCATTAAAAAAAATCCACTCCCAAGGCCCT
CCCAACCAGCATTTTTATCAATACTTCTTGCTCTCCAATGTATAGACAGTTTGAAGACTACACAGTTCAACTCA
TGTGTTCCAAATGACTTGCAATTATCGAATTATATCCTCCTTTAGTTTTACTTTATCCCATGTATATCTTATAGT
TATGAATGTTATATTCCTTATCTCGATC

>trans_s_874 NM_116528|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family
protein (AT4G02940) mRNA, complete cds

AGAGCCAATTCCGCATATTCTTATGACGGTCATAGATCATCTCATTCAAGTGGCAACTGATTCCTGAGTACAAAA
GACCAAATGGATGTCTTTTCAATTTCTTTGAAGAGGGTGAGTATTCACAGCCATTCCAGAAACCTCCACATTTA
GAACAACCCATTTCCACTCTCGTCCTTTCTGAATCAACCATGGCTTTTGGGCGTTCTATTGTTAGTGATAATGAA
GGCAACTATAAAGGGCCACTCACGTTGTCCTTGAAGGAAGGGTCACTTTTGGTCATGAGGGGCAACAGTGCA
GATGTTGCACGCCACGTATGTGCGCATCTCCTAATAAAAGGGTCAACATCACGTTCTTCCGAGTTCGGCCAG
ACTATGATCAATGCCAATCACCAACCCCTCAGATGTGCAATGCTATGACTCTATGGCAACCGACAGTTGCAGG
TACATGCGCCTTGCTTAATGGAGCCACCTATGGCTATGAAGCAATGGAGGTAATGCCAAAATGGGGGATCCTT
CGTGCAACCGGTGGTCATGTTAGCTCCTGTGCGCCCTATGGTAATGAGCCCTGGACGATCTCAACGTGATGGCA

CTGGAGTTTTCTTACCATGGGCTGTTAATACAAGAAAACCAGCAAAACATCTTCCTCCTCGTGCTCGAAAAGGA
CGGTTCTTGCATTACCTCCCGCTGTCGAAACTCGTCTACCAGACTCATCTCACGAGCCAGGCATAAGTGTGTTG
AGTTTCGACTACCAAACTCATCTCACAAGCTAGACATAAGTGTTTTGAGTTTGAAATCAAAGTTGTGGCAGTTC
TGAAGTCGAAGCAACACGACTCGACTAAGTAGTGTGTTTGTCTTTTACAAATGATCTGAGTGAGTTTTTTTCCC
ATTCCACCCCTTCTCCCAACACCACAAAACCGCTTATTTATTTGGATCCCATGTTCTTAGGGGTTTTTTTTTTTC
TCTCTTCTAGATGAAGTTGAGGTTCAAGTTTGAAGAGTGAAGTAGAGGATTTAGGTTGGAATTTTGTATTAC
TAATTGTATTTAAATCTTTCCTTTTCTTCTAGACTTAACTTGAAGTCTTTTCTACTGGGTTTACATGGATTTTC
TGCTTCTGTTTCCCACTAAACAAAATAGTTTAGAGGAAGCAAAATTTGCATCAGTAAAATGATTGATTGACCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_875 DQ336284|Vitis pseudoreticulata RNA recognition motif-containing protein mRNA,
complete cds

AAATGGAAAGTAAATATTGCACTCTTTTTCAAAAAAAAAAAAAATCATTTTATCCGAAACCAAAACATAGGG
CCATTTTTACGTAAAAGAACTCCTCCACTTCTCTCGTGAACCTTCGGCCGTCAACCTCCTTCGATCTCCTGC
CTCTCTTCTCCGGCCAGCATTTCCGCGGACAGCTCACGCGACTCCGCCGAAGAACAACGAAAGGCGGCGGC
GTTTTACCTAGCTCCTTCTGATTTCCCGTTCCTGGCGCACCTACGAAGTGAAGTCTCTCTCTGAAACCCACGC
ACGAGCAAAACACTCTAAATTCCTTTCGAACTTAGGCTCTGGTGTTTCGGTTTTGTGAAATCGAACACAATCAAA
GAACTTTTGGGTTCTTTTTGGCGTTTGCAGCTGAACTTGTATAGTAATTATGTCAGGAAGGTCAAAGGGATG
CACCATTACGTTGGTAATTTGGATGAAAGAGTAAGTGACAGGGTCTTTACGACATTCTAATCCAAGCTGGA
CGGGTTGTGGACTTGCACATTCCTCGAGACAAGGAATCTGGCAAACCTAAGGGTTTTGCTTTGCAGAATATG
AAAGTGAGGAGATTGCCAACTATGCTGTAAAGCTTTTCTCTGGTCTTGTGAATCTTCATAAACGTACCTTGAAG
TTTGCAGTATCTGGGCAAGACAAACCTTCACCTGTTAGCAATGCAATCACTTCATCATCAAGGTTTCCAACATA
TCCCAGAAACCATCTTGAAGCTCTTCTTAACCTGGTTAGTTAACCAATTTAATGGGTATGGATCACATTTGG
ATAACTACAATAAAGAATACAGTCAGAGGTATTCTGGGACAAATTTGGATAGCTTTAACCAACCTAAATCACG
CCGCCATGATTTCGAGTTTTCCAGTAGATTATCCTCCTTACTAACTTTTGAAGTAAATGCAGCCAGTGCCGTGGTTA
ATCTTAATGGTAATATAAGTCTTAGGAAAAGTTGGACCACTTAGATGGTTGTAGAAGGTTTGGAGGAAAATG
ATACGATATTTGGCTATTTGCTATGGTGCCTGCTAGCTTATGTTATTGAATACGTTGTCAATTTGCAGGATTATG
TGTTTCATATGATTTGGCTATGTTGTTATAAACTTATAGTTGATACCCTAACTAAGTATTGTAATCTATTTGATTA
AATATTCACATATTCATGTTTAATG

>trans_s_876 NM_001186675|Oryza sativa Japonica Group Os03g0704700 (Os03g0704700)
mRNA, complete cds

TTGAAGAGCAAATTTGGGGTCGGTCCATTGAGCTTGATCCTGTTGGTCTCTTGACATTAGAATTTGATGATGG
AGAAGTCTATCAATGGAGTAAGGTGACAACGTCAATTTACAACCTGATACTGGGAAAAGTACTGTGATCAT
TATGGTACAATGCGCATAACAGGGAAATCGTGAATATTCATGCGAACTAAAATTCAAGGAGCAGTCTATTATTG
ACAGGAATCCGCACCAGGTACAGGGTATAGTTCAAGATAGATCTGGAAAGACAGTGGCTACATTATTTGGAA
ATGGGATGAAAGTATTCATTATATGAATGGGGACTGTTCCCATAGGGGAAAAGGATTGGATTCTTTATCTGAA
TCCCACCTACTCTGGAAACGAAGCAAGCCACCAAAATTTTCTACTAGATATAACTTCACGCGCTTTGCTATAAC
TTTGAATGAGCTGACACCAGGCTTGAAGGAAAAGTTGCCTCTACAGATTCGAGGCTCAGACCTGATCAAAG
GTATTTAGAAAATGGAGAGTATGAAATGGCCAACTCAGAAAAGTTGCGATTGGAGCAACGCCAACGTCAGGC
TAGGAAGATGCAAGAAAGAGGGTGGAAACCAAGGTGGTTTGCCAAAGATAAGGGAAGTGATACCTATCGTT
ACGTTGGTGGGTACTGGGAAGCCAGAGAGCAGGGGAAATGGGACTCATGCCCTGATATATTCGGTCAGATCC
CGACTGATCCCCAACTCGAGTGAGTTGAACAGTTTTTAATTTTTGTTGTTTTTTTTTCTTTCTTTTCTTTTTT
AAATCTTTTTTTCACATATTTTTACCGGATGAGTAGCCAATATAGCTTGCTCATTTGAGTGGTTTATATAGTATA

GCAACTGCCACTCTCATCGTGGTTGCAAAGTATAAATTAGATTGAAAATGCTGGCCAGTAAAAAATGACATCA
GAAAAAGAAAAAGAACAAAAAAGAGTGAAAAACAGACATAGTTTCTCAAACCAATCTGG
CCGGCATTTCATGTGTTTTCTTTTAGATAAATTTCTTGTATTAGGTTGAAACATCTTTTCACAGCCAAGTGT
TAATGAAAGCATTGTAGAAATATATACATAATCCTAAAAATGACTATAATCATCATCTTGCTGATTTCTCCCGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_877 NM_001185851|Oryza sativa Japonica Group Os02g0122500 (Os02g0122500)
mRNA, complete cds

AGAATGGGACAGATCCCTTTGTCCTGATAATTCTAGAATCAAATAGAAATAGACAAATCTGTATGGTGAATG
CTTACCGAACATATCTGATGCCATTGGTTTTGAAGTTCAGGAGAGGAAAGAGTTGATCAAAGGGTCTTTCAG
AGATAGGCACCTCAATGCTGGTTCATATTATTAGGATTCGGAGTTTTGGAAGCGATTGGTGGAGGCGTAAAT
ACCTGGTTTAGAACAGGAAAGCTTTCCCTGGCCCTCATTGTTCGCAGGAGCAGGGATTACCGTTCTCTGGG
CTCTGGCAGCTGCTCTGTACCTGCAATGCAGAAGGGAAATGAGACAGCTAGAAACCTTCACATTGCGCTGAA
TGCATTGAATGTCATACTTTTATATGGCAGATTCCCACTGGAATTGACATTGTCTTCAAAGTTTTGAATTCAC
AAAATGGCCTTGATTAAATGATACTTCTATGTAACTTCCTCCCCTTTCTTATGGTCTGGGGTCTCTCTGTCTC
TTAAGTCTGTACATGTCTGGACCTTTCTTCCAACCTTCCCATCTTCCAATTCTTGCCTCTGCAATTCTTCTCCC
TTCAGGTATGACTTGTTACTCAAGAACTGAAGTCGATAAGAATTACGTTTCAATCTATGCCATTTTTTAACCAT
CTCCCGGTATAGCTCTATGTTTCAACTTGTTCATTTTAAAGTCTGCAGTCTCACTAATACAGAGAAATACTGCA
GATTCAAGTACCATGAACTTCAAACCTGACGTGAGACTATGTTTGTATCGTCATCCCACTCAAATCAACCACTT
GGCCTGCCCAAATAAAGGACCAGCCCCAACCTGCAGTCGGTTGGCGCAATCGAGCTACCACACAGAA
GAAAGTGCTGTCTAGGGAACAGAAGTATCTCTTCTTCCCTCACTTTTATCAACGAACAATGTTTATTGAGATT
AGAAGGAAGTCTGTCCAGTAGAGTCACTGTGATTTCTTCCATGTTTACATATTTCAAAGGTAATGATGTTAGC
AATGGTAGTAACATCCAAAGAGGATGCTTTCCCTTCCCTGTTTTTACCCTTTCTTCATATAGTATTTGTGTAA
TTGTTATTCAAAGAAGCATTCAAGTTTTCTGTCTTTTACTATGATTGCTTCTTGTTCCTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_878 DQ121388|Nicotiana benthamiana PHB2 mRNA, complete cds

TTTGCAATCAAGATCTTGAGGTGCAATCATTTCTCACCAGAAGAAGAAAATTTGGCCAAATTTAACTGAAACG
TTGGGAATCAGAGACAAAATTCAAACAATCTTGAAGTATGAATTTGAACAATGTTAAGGTTCCGAAGTTGCCT
GGTGGTGGTGTCTGCTTCTGCTTTGTTGAAAATTGGGATTATTGGTGGGCTAGGGTTATATGCAGCTTCCAATA
GTCTCTACAATGTTGAAGGAGGGCATCGGGCCATTGTGTTAATCGTCTGGTTGGAATTAAGATAAGGTTTA
TCCTGAAGGAACACATCTCATAATCCCTTGGTTTGAGAGGCCAATCATATATGATGTTTCGTGCACGACCAAATC
TAGTTGAGAGTAGTTCTGGGAGCCGAGACCTCCAGATGGTTAAAATTGGTCTTCGAGTTCTCACACGTCCCTT
ACCAAATGAGTTACCTACCTTGATAGAACTCTCGGGGAAAATTATAATGAAAGGGTTCTGCCTTCAATTATTC
ATGAAACTCTAAATCTGTAGTCGCTCAGTATAATGCCAGCCAACTTCTTACGCAAAGAGAGGCTGTAAGTAG
AGAAATCCGAAAGACTTTGACTGAGAGAGCAGCCAGTTCAATATTGCTCTTGATGATGTGTCCATAACAAGT
TTAACTTTTGGGAAGGAGTTTACAGCTGCAATCGAAGCCAAACAAGTGGCTGCCAAGAAGCCGAAAGAGCC
AAATTTGTTGTCGAGAAGGCTGAACAGGACAAGAGAAGTGCTATAATTAGAGCACAGGGAGAAGCCAAGAG
TGGGCAGCTGATAGGGCAAGCTGTTGCCAATAACCCTGCATTTATGACATTGAGGAAGATTGAAGCGGCAAG
AGAAATTGCACATACTATTGCAAACCTCAGCTAACAAAGTTTTCTGAATTCAGATGATCTGTTGCTGAACCTTC
AAGAGATGAATTTGGAGTTCAGTGGAAAGAAGTAAGATTATTTCAACTCTTCAAACCTAGAAAAGCCATTTTG
TCTGTTTTCTTGATTAATTAGTGAATGTTGGGGCATTACGTGGAAGACTGGTTAGTGTTGTAAACAAAATA
TGAATGGTTTACTATCCATCTCTTATCCAACAACCTGAGCCGAGCCTGAGCCTGGCTGCTTTAGATGGCTGCCA
ATTCTCATCTACCTGAGGAGATAGTTTTGCGTTAT

>trans_s_879 GQ377254|Populus trichocarpa DHAR class glutathione transferase DHAR1 mRNA, complete cds

ATTTGTTCTCTCACAGGAACACAAACCTCATCTCCAACCTCAAAATCCCCCTTCTTTCTATCACACGATCACTTGA
ATTTCAATCCATTGGCGACGAGCTAATGTGCGCCTCCAGAATCCAACCAGCAGCTTCTGTTCTTTCCACTTCCAT
CAAGCGCCATACGGGTTTTAGTTTCCACCTTCCTTCTTCTCGGTTTCTCCTTTTACCATTCTTCATTCTCCT
TCAGGCGCTCTGGACTTACACGATCTCTCTGTTTCCATGTCTGTTGCCCTCTTGAAGCCTGCGTCAAAGCTT
CCACTACCCTACCCAACAAGCTCGGCGACTGCCCTTTTGTGAGAGGGTATTACTGACTTTGGAGGAAAAGCA
TTTACCCTATGACTTAAAGTTGGTAGACCTTTCAAACAAGCCAGAATGGTTCTTAAAAATAAATTAGAGGGGCA
AAGTTCCCGTCGTTAAATTTGATGAGCAGTGGATTGCAGATTGAGATGTTATAACGCAAACACTAGAAGAAAA
GTACCCAAATCCACCTTTAGCAACCCCTCTGACAAATCTTCAGTAGGATCAAAGATTTTTTCCACATTTATTGC
TTTTCTAAAGAGCAAGGATCCTAATGATGGAACAGAACAAAGCCTTGCTTAGTGAGCTAAGTTCTTCAATGATC
ACATCAAAGAGAATGGCCCTTTTATCAATGGGAAAGAGATTTCTGCTGCAGACCTGTCATTGGTCCAAAGTT
GTACCATCTAGAAATTGCATTGGGTCACTATAAGAATTGGTCTGTTCCAGACAGTCTACCTACGTTAAGTCGT
ACATGAAGAGCATATTTTCAAGAGGATCTTTGCAAAACTCGTGCAATTGCCGCAGGATGTTATTGCTGGTTG
GCGTCCAAAGGTCTTAGGTTAAAATATTTTCTATACTGCTGAATCGTTTGGGATGAGATTCCACTGCCCTTCAT
CTCTTGAAAGGCAGGCAAGGTAGTCATTTAAATTTCTAACAAATATGATTCAATGAGCGTTTTTCTCTGCTTC
TTTCACACTCAAAGCTGTTTTGTATTATGCTTATGTCTAAAACATCTTGTAATTGAACTTTGTGTGAAAGTAA
GTCGTTCAAGTACTTCCCATGTAATATGAATTTATAAAGTTGTGATTGTTTGTGTTTTTCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_880 XM_002884769|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family protein, mRNA

TATCTCAGACTCGAACTCCAATGTCGACATCTGATCCATCATCTCTGCCAATAACTTCAATTCCTCATCAAACCA
AGAAGATTGGTCTTCTATGATTCTTGCATGGCTTTGGAGCTTCTGTTTTCTCATGGAATTTGGTGATGAAG
CCTTTAGCTGATATCACTGGTTCCAAAGTTCTGGCATTGATCGACCAGCCTTTGGATTGACATCAAGAGTGGA
TTATTCGGGGAATTCTTCTGCTGGTACAAAGGATAGAAAACCTCTAAATCCATACAGCATGGCGTTTTAGTCC
TCGCTACTCTTTATTTATCGGTTTCTTAGGAGCTGAAAAGGCAATATTAGTTGGGCACTCAGCAGGTTGCTT
GTAGCAGTAAATTCATATTTCCAAGATCCACAAAGTGTGCTGCTTAAATCCTGTTGCCCAAGCAATTGTAGCT
CCTTTAGGAGGTAGATTGCCCGGGACAACCCGGTCCAAGAGAATGTCTCCGATTTAAATGTTGTAGGGAATC
CAGTAATTCAGCTGTCCAACATTCTGTCAGCGCGGCTAAGTTATCGTGAGTCAATAATGCAGATGATGAA
AAGAATTCTTGAATTTGTTGATTTCTGTACATAAAAGTTCTGTGAGCTTTTCTCGTTCAACCTTGATTCTAACG
TTGGTACGGATGATTATAGATAAAGCTGGTATTGTTGCTATCAAGAAAGCTTGGTACGATGCTGCTCGAGTAA
ATGAGCATGTTTTACATGGCTATACAAAGCCATTGAGGACAAAAAACTGGGACAAGGCACTTGTGGAATTTG
GTGCAGCCATGCTTACGGATAGGGCTTCCCCACCACTTCGAGAAGACTTCATGAAATTTCTGTCCTGTTCTT
ATCATCACTGGCGATAGCGACAACCTCGTGCCTTCTTGAATGCTGTGAAACTTTCTGAAGCCATACCAGGATC
TCATTTGGAGGTGATCAAACATTGTGGTCACCTACCTCATGAAGAAAAGGTAGACGAGTTTGATCAATTGTT
CAGAAGTTCTTATACAGAACTTTTGTGATTACATGAACAGTGATTTAAACAATTCCAAGGCCTCCATATTATT
ATTAGATTTGTTCAAACTTGGGAGTTTTTAAGCATTTAATTTGAGAAAATTTGCTTCTTGATCTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_881 NM_001055023|Oryza sativa Japonica Group Os02g0814000 (Os02g0814000) mRNA, complete cds

ACACTTCACATTTCTTCTTCTTCAATCTGTTGAAGCTTTCTCTCTCTCTATGTTGCACACCTAAATTGGCCA
TTTGGGTTTATTGAAAATCTTGTCCCTTGAAAATTTCTTAGGCAAGATGACTGAGGAGGAGTCTCACAGG

GTTGTATTGAATTTATACGACCTTAGCTGCGGATTGGCTCGACAGTTCTCCACAGCATTGATGGGGAAAGCCA
TTGAAGGCATATGGCACACTGGGATTGTAGTGTATGACAATGAATACTATTATGGTAGTGGAATCTATCACAG
TCTTTCTGGAAATACACCTTTTGGAAACCAATCCATGTCATTGATTTGGGCATTACGCATGTCCCAAAAGATG
TGTTTGAACTTATTTGACTGAAATCAGCCCGCTTATACAGCTGAGACTTACAGCTTGTTGGCTCATAATTGC
AACAATTTAGTAATGAGGTTGCTCAGTTTTTGGTTGGCTCGACCATCCAGAGTATATTCTTCAGCTTCCCAA
CGAAGTTAGAAGTAGTCCCATGGGCAGACTCATGCTTCCGATGATTCAGAACCTCGAAACAACATTAAAATCT
GGTTCAGTTCCAAAAGTTCCACATATTAGCCATCATCAACCCACGACAACATCAGCTCCGATATCAGCCTTGGA
TTCTAATGTTGAAGAATCACCAGACTCTGATGTCGAACCGTCTGGTGGCGATAGTAGCAATGTAATAAGCG
CAGTCTGCCAAGCAAAACGCGTCCGAGGATTTGACACATCTGTCAATAGAGCCTGCTGCAGGGGTAGGGCAG
CAGAAGTTCCTGGGAAGACAATTGATGGAAGTTTGGTCAACAATGCTCGTGTGTCATGATAGAAGACAGGATT
AAAGGTGAATTTGCATCGATCATGGCGACCGGGAAGCATCGTGCAAGTGAAGCTGCTGCACTTGCAGCCAAG
AGAGTGATGAGCAAATGTAATAGACATATAAGTGCTGCAGCTTCACAGCACTAGAAGGTGTCATGCATCCTTC
TTCCTCCAATGCGGTTTTCTAAGATAGTTCTAGAATACAAGTAGTTAATAGCTTTGCTTCATGTACGGTTGGGG
AATACTCTTGAGATAACTGTTTCATCTGCTGAGATAACATAGTAAGTTTATATAATATCAACTTTTTTTCTAGTTA
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_882 U80269|Malus domestica translation initiation factor 2 beta (eIF-2beta) mRNA,
partial cds

ATCTTCTCTTATTCTTCGCGATCTCTCTGCCTCTCGTGACTCACTGACTCGTCTCTTCCAGTCTTCTCTTTGCCGT
CGACTACCCCTCAGCTCAAAGTTCGTCTTTCCGCCGGCGACGGAACCATGGCGGACGAAGTTCAGAATGATGT
GACCGATCAGGTGGCAGATATTGCCCCCTTGATCCAATAAGAAGAAGAAGAAGAAGATTGTACTTCA
GGATCCTACTGATGAGATTGTTGACAAGTTAGCAGAGAAAAGTAAAGTTTGTGAGTTTCTGATGGTTTGGAG
ACTACAACATTTCTGGACTTAAAAAGAAGAAGAAAAACCAGTAGAGGCGAGCTCCTTGAATGAAGATAGT
GCAGATGCTACGGAAGATTTGGAAGATCAAGCGGGGGAAATTGAAGATCGTGAGGGAATTGTTCTACAGTAT
CGTTATCCTTGGGAGGGAAGTATCGCGATTATGAATACGAGGAGCTTCTTGGACGGGTATTTAACATTCTTA
GAGAGAATAATCCAGAGCTTGAGGTGATAGGCGTAGAACAGTTATGAGGCCTCCTCAAGTTCTTCGTGAAG
GCACAAAGAAAAGTGTGTTTGTAAATTTTCATGGATCTATGTAAGACGATGCATCGGCAGCCAGACCATGTTAT
GGCTTTCTTACTAGCTGAAGTGGGAACAGTGGCTCTCTTGATGGACAGCAGAGACTAGTTGTTAAAGGAAG
GTTTGCACCAAGAACTTTGAAGGAATTCTGCGTCGATATGTCAATGAATATGTGATTGTCATTGGGTGCAAG
AGTCCAGATACTATCCTTTCAAAGGAGAACCGGCTTTTCTTCTCAGATGCGAGAAGTGTGGTTCTGGACGGT
CAGTTGCTCCAATTAAGCTGGGTTTGTGCGACGTGTTGGCCGGAGGAACACTGGGACATGATATGTGCTTGT
TCCTTTATATTGAAGCTCGATGTTTTGAGTAGTAATAATCTCGTGTTAAACTTTATGACCACAAGTGAATTTG
AAGTGAATGCTATATTGTAGTTGGGAGTCTAGAATTAAGATAATGAGGAGCTATGAGAATTGAGGTCTCTTT
ATTTTCTCTATATCCACGTGGCATGCTAGTTGCTCATACTGAGCCTTTCTGATATTCCACTTCTTTTTCCCCCTC
CGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_883 AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

GCTTCTTTTTGTTCTACGAATAGAATCGAATTGTTCCATTATTACTAAAAGAATAGACTAAATATTAATCCTTT
CGCCAAGATAATCCCTCAAAGGGGAGGTCCGTAGCATAGTTTTTTTTTTCAGTGCAATAAAGTTACATAGTGT
CTATTTTTCTTGATAAAGGGGTATTTCCATGGGTTGCTTGGTATCGTGTTACATACCGTTGTATTGAATGATC
CCGGTCGTTTGCTTTCTGTTTCATATAATGCATACAGCTCTAGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCAATGGCCCTATAC
GAATTAGCAGTTTTGATCCCTCTGATCCTGTTCTTGATCCAATGTGGAGACAGGGTATGTTGTTATACCTTC
ATGACTCGTTTAGGAATAACCAATTCATGGGGGGGTTGGAGTATCACAGGAGGGACTATAACGAATCCGGGT
ATTTGGAGTTACGAAGGTGTGGCCGGAGCACATATTGTGTTTTCTGGATTGTGCTTCTTAGCAGCTATCTGGC

ATTGGGTGTATTGGGATCTAGAAATATTTTGTGATGAACGTACAGGAAAACCTTCTTTGGATTGGCCGAAGAT
TTTTGGAATTCATTTATTTCTCTCAGGGTTGGGTTGCTTTGGTTTTGGTGCATTTTCATGTAACCAGATTGTATGG
TCCGGGAATATGGGTATCCGATCCTTATGGATTAACCGGAAGGGTACAAGCCGTAAATCCTGCGTGGGGTGT
CGAAGGGTTTGATCCTTTTGTCCGGGCGGAATAGCCTCGCATCATATTGCAGCAGGTACATTGGGCATATTA
GCGGGCCTATTCATCTTAGTGTTCTGTCGCCCAACGTCTATACAAAGGATTACGTATGGGAAATATTGAAAC
CGTCCTTTCCAGTAGTATCGCTGCTGTATTTTTGCAGCTTTAGGGCGATGCGATGGCTGTGGTATGGTTCAG
CAACTACCCCGATTGAATTATTTGGGCCACTCGTTATCAATGGGATCAGGGATACTTCCAGCAAGAAATATAT
CGAAGAGTTAGTACCGGGTTAGCCGAAAATCAAAGTTTATCAGAAGCTTGGTCTAAATTCCTGAAAATAATC
GGGGATGGTAGATAGAGTGGGGAAGTATGACACTTTCCCAAAATGATCGACGCTGATTATACTATGCTGGT
GTTTTATGTGTGCTCCCCAGGCGGT

>trans_s_884 XM_002299372|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription
factor (ERF6), mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGTCACG
TACCAAATAAATTCATATTAGCAATTTAACCTTTCAACACATCTTCGTGATGTTTGATGGTTCAAAATTTTACATT
CCAATAAATGAACAAACAAATCATACTAATCTCCAAACTTCAAAACATATCACCTTTTTCTACTTCTTCTTCTCT
TCTTTTTTTTTTTTTTTTTTAATTCTCATCAACTTGGATAAGCTTCATCTTAACCCTCACAAAGTTGATGGATTTTAA
TCTCTTTTTTTTTTCTTTCTTTTTTTGAAAAAAACAAACAAATTCATGAAATTTATTTTTTACAATTTGTATTTAT
ATATTTATATGACTGTGCATTGAGGATGTCCCATTAACGGATAAGGCGATAACGGCGGCACGTTAAAAATTC
TTTTCCATCACTGTCCCAAACCGTCGCCCAACAAGACGGCGTTAAAGGACAAACGGTACTCGGAAGTCCGATC
TCCCCTGTTTCCGATGACTCCTCTTCTTCTCATCTCCTTCTTCCCATTTCCACAACCTCACTCTCACTTCCCTCCTC
CTTTTCCGTCCAACATCCGAAGTCGATGGCGGATCCTCCACATCCTTCCCAGCCTCAAGAGGAAAATTCAAAAT
GGCTTTACTTCCCCTCATCTAAAGCAGCTCTGTCATAAGCTTTTCGAGCTTCAATAGCGGTATCATAAGTTCC
AAGCCAAACCCGAGCCCCACGCTTACTGGGGTCACGAATCTCCGCCGCGTATTTCCCCACGGCCGCCGGCGG
ACTCCTCTGTAATGCCGACTCACACCCACATCCGATTTGGCCTCAATCGAGGTTTCAACCGCCGATCCTACAGA
GTAATCTTAGGTGGAATCGCTACGTTTAGCGACGGGCGGCGTGAGCAACCTTTGAAGGGGTGGAGGAGG
AGATTTGAGATTGGTGTCCGTTGTTGTGGTGGTGAAGTTGAGATTTGAAGCGAAAGACCTCTGGGAGTTGA
AATCGTTGAGGAGATGTTGTCTGATGAGATCGAGAGTGAAGCGTCATCCATGGAATTGGTTGATTGGTTAT
GAAATTGGATGAAGATTTAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGA
AGAAATTGAGT

>trans_s_885 EU002403|Datisca cannabina photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB)
gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes,
complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

AGTAACATCGATGAAGCTACTGCGAAAGGCTACGAACTTAGAAATGGAGAGCAAATTGAAGAAATGACCTTA
AATCTTAGTGTCCTGACTCCGAATCGAATTATTTGGGATTCAGAAGTGAAAGAAATCATTTTAGTTACGAATAG
TGGCCAAATTGGTGTATTACCAGATCACGCACCTATTGCCACAGCTGTAGATATAGTGCGGGTGCCCATACGC
CTTACTCCTAATGATGGATGGTTAACGATGGCTCTGATGGCCGTTAAACAAAGCATTGCGATAATCCCTGCG
GACACTAATCCCGCAAAGGTGGATTATTCAGAGCGGGTTCCATGGACAACGGGGATGGAATAGCTGTTGGT
TGTTAGGACACCCTGTTTTAGAGATAAAGAAGGGCGCGAACTTTTTGTACGCCGTATGCCGACCTTTTTTGA
AACATTTCCGGTTGTTTTGGTAGACGGAGACGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCTTTTGAAGAGCAGAATCG
AAGTATAGTGTGAACAGGTCGGTGTAAGTGTGAGTTCTATGGCGGTGAACTCAATGGAGTCAGTTATAGTG
ATCCTGCTACTGTGAAAAAATATGCTAGACGTGCTCAATTGGGTGAAATTTTTGAATTAGATCGTGCTACTTTG
AAATCCGATGGGGTTTTTCGTAGCAGTCCAAGGGGTGGTTTACTTTTGGGCATGCTTCCTTTGCTTTGCTCTTC

TTCTTCGGACACATTTGGCATGGTGGGAGAACCTTGTTTCAGAGATGTCTTTGCTGGTATTGACCCAGATTTGAG
TATCTGTCTACAGTTTGGGGCATTCCAAAACTTGGAGATCCAACCTACAAAAAGAGTCTAGTCTGATACAAGA
TTGCTCTGTTCTTTTTTCTTTATTTTTGATTTGACATAGATAGGGTACCGGATAAATCTTTATTCGGATTGCT
TACTTTTCATTTCTTTGACTCTTGTCTTGGTCTGGGAAAATAGGGTAAAAAGATCCCAATTAACAGGTATGGA
AGCTATAATTGTAAACCGAAATCAAATCTATGGAAGCATTGGTTTATACATTCTCTTAGTCTCGACTCTAGGA
ATAATTTTTTTCGCTATCTTTTTTCGCGAACCGCCTAAAGTTCCAACCTCCAACCTAAAAAGGCAAAATGATTCTC
ATTATCTCAATTGAAGTAGGGGCC

>trans_s_886 FJ807473|Populus trichocarpa peroxidase (PO1) mRNA, complete cds

AAGTTCAGTGGACAGTGTGTGAAGAACCACTACAGAAAAATGGGTTCCAAACACTGTGTTTCTTCTTCTTCT
TTTCTTTGTGGCTGTTTCTTTCAAGTATGCTTCAGCACATGATGAGGAAGACAATGGTCTTGTTATGAATTTT
CAAAGATACATGTCCCAAGCTGAAGATATCATCAAGAACAAGTTAGGCTTCTCTACAAGCGCCATAAGAAC
ACTGCATTCTCTTGGCTTAGAAATATTTCCATGACTGTGCTGTTCAATCCTGTGATGCCTCTCTGCTGCTGGAT
TCAACAAGAAGAACCCTGTCAGAGAAGGAAACAGACAGAAGCTTTGGACTTAGGAACCTCCGGTATATAGAG
ACCATCAAAGAGGCGGTGGAAAGAGAATGCCCTGGAGTTGTCTCCTGTGCAGATATCCTTGTCTGTGAGCCA
GAGATGGCATTGTTTCTTGGGGGGCCTTACATCCCACTTAGAACAGGCAGAAGAGATGGAAGAAAAAGCA
GAGCTGATATTTTGAAAACCTATCTCCAGACCACAATGAAAGCATGTCTGTTGTCCTTGAAAGATTGCTGCC
ATGGGTATTGACACCCCTGGAGTGGTTGCTTTACTAGGAGCTCATAGTGTGGTAGAACACACTGTGTGAAGC
TGGTGCACCGGTGTACCCACAAGTAGACCCTGTGCTGAACCCTGGCCATGTAGAGCACATGTTGTACAAGTG
TCCTGATGAAATCCAGACCCCAAGGCTGTACAGTACGTGAGGAATGATCGTGGTACACCGATGATTCTGGAC
AACAACCTACTATAGAAACATACTTGACAACAAAGGACTGCTGACACAGGACCATCAACTAGCCACAGACAAG
AGAACAAAGCCATATGTGAAGAAAATGGCCAAAAAGCAAGACTATTTCTTCAAGGAATTCTCAAGAGCCATTA
CCATCCTTTCTGAGAACAACCTCTCACTGGCACAAAGGGTGAAATCAGGAAGCAGTGTAATGTTGCCAACAA
GCTGCACTGAGTTACGGCAAGCTTGCTCAAGATCCACGTGATCTGCCTCTCTCTGGTTAAGGGAGATAAGGGA
GTGAGTGTGGCTGAATAATTAAGATTGTGGTTTATCCACCTGTTGTAAGCTAAAATTAACGTGGTTGTGTTTA
GAGGGAGGTTGTGCTGTGACACACTGTCTCT

>trans_s_887 XM_002886193|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata S-locus lectin protein kinase family
protein, mRNA

ATTGGTGGCTTTTGAATATAGAGATTGCTAAATGCAACAAAGAACTTTTCACATAAACTTGGAGGAGGAGGG
TTTGGTTCTGTCTTTAAAGGGTCTTTGTCCGATTCCACGATCGTGGCGGTGAAGAACTCGAGAGTGCTAGCC
AAGGAGAGAAGCAATTCAGGACAGAAGTCAGCACAAATTGGGACAATACAACATGTTAACTTGATTCGACTTC
GAGGATTTTGTCCGAAGGTAGTAAAAAATTGTTGGTCTATGATTACATGCCAAATGGTTCATTAGATTCTCAT
ATTTTCCACAACCAGAATCCTAATAATGTCTTGGAATGGAAAACAAGATACCAAATTGCTCTTGGGACTGCAA
GAGGGTTGGCTTATCTTCACGAGAAGTGTGCGTGAATGCATCGTACACTGCGACATCAAGCCCGAAAACATACT
TTTGGATGATCAATTTTGTCTAAAGTAGCTGACTTTGGCTTGGCCAACTCTTGGACGAGAGTTTCAGCAGA
GTCCTAACAAACCATGAGAGGCACACGAGGCTATCTAGCGCCGGAGTGGAATTCAGGGGTTGCAATAACAGCA
AAAGCTGATGTTTTAGTTACGGGATGATGCTTTTCGAGTTCGTATCGGGAAGACGAACTCAGAGCAATCTG
AAGATGGAACAATCAAATTTTTCCAAGTGTGGTTGGAAAAGTAATAACCGAAGAAGGTGATATCCTTGTTTT
GTTGGACCCGAACTACAAGGAAATGCTGATGTAAAAGAGGTAACAAAGATTTGTAGAGTAGCCTGTTGGTG
CATCCAAGATGAAGAAAGTCAAAGACCATCAATGAGTAATATTGTCAAATCTTGAAGGTGTTTTGGAAGTT
AACAAACCGCCATTGCCAAGATCTCTACTTGCCTTAGCGACAGCCAAGAGCATCTAGTCTTCTTCACTGAATC
CTCATCCTCATCCTCTTCAAACCAAATTCGAAGACGAACTCATCGACTCCGTCATCTCAGACCAAAGCAGCA
CATCTACAACAACTCCTAGGCTTGAAGATTTTTGCTGAATCCAAGACTTGTCTCTTTTCATCCAATTCAGT

ATATATTCTCTCTTTGCTCTAAAATAAAAGGCCAACTTTATTAATCTTCATTTGCACTTTCTCTACAATATCCATG
TAATAAATGTTCTAAAGTTTCCTTTTAGGA

>trans_s_888 AY324112|Brassica napus adenine phosphoribosyltransferase mRNA, partial cds

AGAGCCGCGCATGAAAGCAGTCTTCAATCTCACTTCCTCACTTCCTCTTTCCCCCTCACCTCCCACTACTACAG
GACCACCGCGATCTTCACTCCTTCTCCTGATCTGTTTGCTTCTCCCTCAACAGCCGTCGGCGGCGCTTTCTCGTC
TTGTCGTACACATTTCTTGACTCACTTCCACAGCATCCATCTTCCTTCTCGCCTCTGCGATGCAATGTGAGGAA
GACGGTGCCGGATCAAGAAATGGCGTCCACCGATAAACAAGACCCACGCATACCCAAAATCTCCAAGGCCAT
TCGAGTTATCCCGGATTTTCTAAACCAGGGATTTTGTTCAGGATATTACAACCTTGCTTCTTGATACAAAGGC
CTTTAAGGACACTATCGATTTGTTGCGTGAGAGGTACAGAGGGAAGGATATCTCTGTCGTCGCTGGAATTGAG
GCGAGGGGTTTCATTTTTGGCCCTCCGATAGCTCTGGCTATTGGTGCAAAATTCGTGCCCATGAGAAAACCCA
AGAAGTTGCCCGGTGAAGTCATTTCAGAAGAGTACTCTTTAGAGTATGGAAGTATAAAATTGAGATGCATGT
GGGAGCTGTTGAAGCTGGAGAACGTGCTCTTGATAGATGATCTCATTGCAACTGGGGGAACCTTGTGTGC
AGCTATAAGTCTACTTGAGCGAGTTGGCGTTGAGGTGGTCGAGTGTGCATGTGTGATCGAGCTGGATGGATT
AAAGGGCCGTGAACGATTGGGAGACAAACCTCTATTTGTTCTAGTTAATGCAGCGGGATGATCATATGCAATA
TGTCGTGTTTGGAATGGTGGTACTAAGATTGTATGGCTGCTGGAAGTTGAAGTTTCAAAGTACTCCATAATT
TTGAAGCGGAGAGTCTGGCTAGAAATAAAAGGGTTGGTATTGTTTTGAGAGTTGAAGAGTTAAACAAAAGA
AGAAGAAAAAAGATCCGTAGAGACCGTATTTAGCTTTTGTTAATCTGGTGGTAATATATTTGTTGTTTGTTA
ATTGGTCTGCTATCTCTTTTCTGCCTACCTGTTGAAGATTGGAAGGTGAGAGAGAAGTGGTTCACGTTAATTT
TGAATATCTGCTGAAACTTCTTTAGTTTGCAGTTGAGTAGTTTTCATCGAATAAAAATGCCTATTCTACCCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_889 NM_001065473|Oryza sativa Japonica Group Os07g0160300 (Os07g0160300)
mRNA, complete cds

AATAAAATGAAGTATAAGGAAAAGTTGATAAGAAAAAGTGTTTTGGAAGTCCATAGTTTGTCGTCTCGCTTAG
GTTGATTTTTTCAGTGGCGCGAATCAGTAGAGATTAGAGTGCTTTTTGTGAGAAAGAGGATCGTACTGGATGG
CTTTATCTGCAATAAAATCAGGGGCGTTGGTTTCACTGAAAGACTTGATGAAGCCATCTTCTGAGTTCTTCAAG
GATGGGGCTTCGCTTAGAGTTACTGGAAAGTAAAAGTTATCTAAATGGAAAAACATTTTATGCTTTCTACAAC
TTTCATATGGGCCATAAAATTTGGGCTTAACTTTATTGGTGAATTGATTCTTGGTAGATTTTGCTTGAATTT
GTTTTCCATAACTGTCTGTTTGAAATTTGGGCTGCCTTTATTTTCTTAGCAATGGAATGATCCACTTAAATTTTCT
CCTCTGGATGTTCACTATTTTCTTAAACTAAAAGCCACCAGCAAACCTATTTCACTGCAGCCTATTAGTTAGTTT
GTTGCGGATTTGTATGTAGTTATTATCTTAAGTTTTCACTTAGGTGGCATAATTATATCCTTCACATTTGTTTT
TAATAGCACTATTCAATGTAGAACTTTTTGACTGTAGCAATCTATCGGATGTTGAAGGGGATAGATTTCCCTG
GCTGTTGTGAGTGTTCAATTGTCTTATATGCATCAACAGAAACCAGATATTTAAATCCGTAGCTAAAGCTCAG
ACCTACCATTTAATTGAAATCTTGAATAAACTTTGAAACATAATCTGATGGTGTGCATCACATAATTCTCCTCTTA
CTTAATGTGACAACAGATTATCCGTTGATTACTTTTAATAATGGAGGCTAATCTTTATGTATATGCAACTGTTCT
CTTGATTTATTGCTATGACGTAGATGACTGAAATACTTTTGAATCTATGAACTGTTTCCTCAACTCTTTTTGTGA
CAATGAAAATATTTAACATCTGTTCTTCAAGACAGATTAGTGGAGTATTCTGTAGAGACGGCCATTGCCATAAT
TGTGGATGGAATGTAACTTGAAGATCGACACACAGCATCTAAGAGAGCTTAGCATTCGCATTGGTTCCATA
TATCAATTTATTGGTGAACCTACTTGTTCACTCAGATAATGAGGCAATTTTGCANGCACGTGTTGGCAGGAAAT
GTTGATGGCATTGA

>trans_s_890 D50407|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 1 complete
cds

AGAATTGGCCTTGATGAAGCTTCCTGAACCTTCACATGCCACAGCCAGAATGTTGGTGATTGGAGCTGGTAAG
ATGGGAAAGCTTGTAATCAAACATTTGGTTGCTAAAGGCTGCACAAAGATGGTTGTTGTGAATCGATCTGAAG
AGAGAGTCACAGCCATCCGTGAGGAGATCAAGGACGTGAGATAATCTACAAGCCCCTCACGGAAATGCTTA
GCTGTACAGCTGAAGCAGACGTGATATTTACCAGCACTGCTTCTGAAAGTCTTTTGTTTACAAAGGAGCAGGT
TAAGGATCTTCCCCCTGTTGGTCATGATGTCGGGGGCTTGAGGCTTTTCATCGACATCTCTGTTCTCGAAATG
TTGGAGCATGTATCAACAATCTTGAAGATGTACGAGTGTACAATGTTGACGACCCTAAGGAGGTAGTTGCTGC
AAACAAGGAAGATAGGCTCCGAAAAGCGATGGAAGCACAATCAATTATCACCGAAGAATCCAAGCAATTTGA
AGCTTGGAGGGATTCAATTGGAGACTGTTCCAACAATCAAGAACTAAGGGCTTATGCCGAAAGAATCAGAAC
TGCCGAGTTAGAAAAATGTCTATCAAAGATGGGTGATGATGTCCCCAAGAAGACTCGACGAGCTGTGGATGA
TCTTAGTCGTGGTATAGTTAACAAGCTGCTTCATGGTCCCATGCAGCATTTGAGATGCGACGGGAGTGACAGC
CGAACTTTAAGCGAAACCTTGAGAACATGCACGCTCTAAATAGAATGTTTCAGCTTGGAAACAGAAATCTCAG
TGTTGGAACAGAAATCAGAGCTAAAGTGGAACAAAACCAGAAAGTAAGCAGTAGTAATATTATATGAAACTC
TCATTCACCTCCCTTTGCTTTTACTTCCACAGTTCGAAATAAGGGGAAAACTCCTCACCTCAGTTCATCGTGATC
TCGAATCCCGTAATTAATCTTCATTAATCCCTATGTGGGAACTTTCCTTTTGATGATTTGTGTATTGACAATGGT
GAAACCTGGTCTGTCATACCTCTGTGTTGGCTTGTTCTTGTGCACTTGTGAGGTAATCTTGTACCAAGTTTGTA
ATCTGTATCTGAAATTTGGTTAATTTTTGTAATTAAGATACTGATTTTCAATATATAGAGATAATCCTTATTCTTC
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_891 XM_002878111|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S2, mRNA

TCCAACGCCTCACATTCCTTCCTTTCTCCCTTTACCTGAACATGGCGGAGCGCGGCGGATTTGGACGAGG
GTTTGGCGGCAGAGGCCGTGGCGGAGGTGACCGCGGACGTGGAGGTCGCCGCCGAGCAGGTCGACGAGAC
GAAGAAGAGAAATGGGTTCCAGTCACTAAGCTAGGGCGCCTCGTGAAAGAGGGAAGGATCCAATCTTTGGA
GCAGATCTATCTCCATTCTCTCCCCATTAAGGAACACCAGATCGTTGATACCCTTATTGGTCCTAGCCTCAAGG
ACGAGGTTATGAAGATTATGCCAGTCCAGAAGCAGACTCGTGCCGGACAGAGGACTCGTTCCAAGGCGTTCCG
TTGTCGTCGGCGATGGTAATGGCCATGTGGGTTTGGGAGTTAAGTGTAGTAAAGAAGTTGCTACAGCGATTTC
GCGGTTTCGATTATTTTGGCTAAGTTGTCTGTGATTCCCGTGAGAAGAGGGTATTGGGGTAACAAGATTGGTAA
GCCCCATACGGTGCCGTGTAAAGTTACCGGAAAATGTGGGTCTGTTACCGTCCGGATGGTTCCGGCGCCGCG
AGGGGCTGGAATTGTGGCGGCTAGAGTGCCCAAGAAGTCTTGCAAGTTCGCTGGGATTGAGGATGTGTTTAC
ATCTTCTAGAGGATCGACCAAACTCTCGGAACTTTGTTAAGGCAACATTTGACTGTCTTCTGAAAACATACG
GCTTCTTAACACCTGAATTTGGAGGGAGACACGCTTCACAAAATCCCCATTCCAAGAACACACAGATTTGTTG
GCGAAACCCACGGTGAAGGCATTGTTGTTGGAAGATCCCGACAGGGTACTGCTTGAAGTGGTTAATATCTT
CTTCCTTCTCTGCTTCAATTATGGGAATATGTTGATGGTTTCTTATATGACAAAGGTCCCATACCATTTATTCTC
TGTTGAGCTCTGTACTTCAAAGGACATTAGTTTTTTTTCCCTTCTATTTTTCACAAATTTGAATTTGACTGT
AATTTATTTACCACCTTTGAAGGCGAGTAGGTTTTTTTTTACTATTTTGTGTTTACTTGTGTTACGGTCTTC
GCAGGAATTTCTTTTGTGCCCATATGGTTTTGTGAGTTTTGGTTGCCAACAACTGAGATTACATAAATGATG
TGTTGAAATTAGGAAGGGGAAAAAAAAA

>trans_s_892 NM_001186259|Oryza sativa Japonica Group Os02g0804150 (Os02g0804150)
mRNA, partial cds

TCAACAATTACTCCCAAATTAACCCCTAAATTGATCAAAATTTCCAAACTCGTCGCGCGCACCTTCCCAATTT
TTCCTTCAATTTCTTCGCATGTGTCGTCTATTGTGAAGTCTCGGCTGTCGCTCCGTCTTCCGAACGTCGTTCTG
TCGTCGAGCGTTGTTCTTTCTTCTTCAGATTGGTCAAGGTCGCTCCGTCGCCATCGTTCCGAGACGATAAGGTA
AGGTTTCATGGATCTTCAGCTCGTGCCGATAAGGTGAGAGGCCAGACACCAAGGTTGCTAAACAAGACAAGA
AGAAGAAGCCACGAGGACATGCTCACAAACGGATGCAATACAACCGTAGATTTCGTAAGTCCCGGAGGAGGG

TTCAAATGAAGTTGATTTTGATCGAGTTAAAATGTAGAAGAAAACCTCGAGTTAACAAACAAGGAGAGTACAAC
AACGATGACGTTCAACAAGTCGTCCATAAAATAAATGAGATCTCAACGAATACAAATTCATTATCTGTGAATG
GACACTATTCGAATGATGTGTTAACCAAGCATTGAGTATAAAAGAGCACAATAATTGTGTGCGTGGGGTTTG
AGGATATGTTATTCCGACAACGTACTTTCATTAAATTAAGAAAACATCAAAAGTTGAGGCGAACATTCTACTTG
AGAATGAAGAACTTCGAAGGCGAGTTAGTTAATTAGAGGCACAAATTCACTTAAACTTGTCTACACCATTCTCT
ACACACGGGAGTTGTTTAAGGCCAATAACATGAACGAAGTCAAAACATTTACATTGGTGGCCTATATGATAAA
ATGTGCAGTTTGTCTTTGTACATTTGTCTCTCATCTCTTTTGGAAACACACAAGAATCTCGAAGTCGAAACTTGT
GTAGTAAATTGATAGTGTCAAAGGCAAACCAAGTAGTTCTTGCTCCTTTAATCTTGATTGATACACGAAAAAC
CATACTCAGGTCGAGTTAGATGAGGGGGGGTAGAGTTGGCTGATTTTTTGGGTTATGTACATATGATTGTAAC
TTATTTGTGATTCTGAAGATGGAACTTTTTGTTGTGGCTGATTTTTTGAATTGTTCATATAGAAGGGTATATTT
TTTAGACTTTGTTGTGGTAGATATTTCCAACTTTGTTGATAAGTGAATTGTTGATAAGAGTTGAATTGTTCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_893 BT026364|Arabidopsis thaliana At1g29320 mRNA, complete cds

AATATTTGTGGGAATGCGTCTGGTGATCTTGCATCTTTTGATATTCGCAATGGAAAGTTATTAGGTTGCTTCT
TGGGGAAATGTTCTGGGAGCATAAGATCCATCGCCAGGCACCCGGAATTACCAGTCATAGCTTCATGTGGACT
AGATAGTTACGTGCGCTTCTGGGATATAAACACAAGGCAACTTCTGTCTGCGGTATTCCTAAAACAGCATCTCA
CCGGTGTCTGCTTTGATTCTCATTTTGTGGGAGAAGACGTAACACAAACTGCCGTAGAGTTAATCCAACAGGA
AACAGAGGCAGCTCAAACGTGTCAGTGAGGAAGAACACGTGCCTCGGAAAAGAAAAAGTCATCTAAAGAAG
ACGGTGAAGGCAGAAAAAGGAAAGGTAGCAAGACCACAAACAAAGAAAGTAAAAAAAGCAGAAGGAAGT
CACATGGCGAAGCTGAAAGAAAGCGGAGGTAGTGGGAGTTACATTCAAATGAAGGAAAGATGGTTTAGAAT
ATGTTATCCTTGGTTCTTGAGAAAGCAGAAAGGTATTCTTCTTGATCTATTGAGTTAGCAAATAGTGTTGGA
AATTGAGGGTACAAGAAAAAGTTATTTATCTCATCAATGCATTATTTGGCCCAAATCATGTGTGTTAGATATG
CAGGCTCCATAGTTTTTGGAGTTTGTCTGCGAAGTAGGAATGATTCCAATTCGAAGCAGTTCAAGGAGGGC
TCCCATGTAACTCTTCTTTTTATTTTTATTTTTAAAAAATTTTATTTATACCATATTACTTGAGGTTAGAAGTA
TTTGAGTAGAATACGTATAACGTTTTAGATCTGCCCTTCATTTTAGGCCTAATTATTAAAAAAATTCGGGCACC
TTATGCTTAACTTATGAGCTCATCAATTGTCGAGGAGAATTCGGCAAGTCCTTGGAATATTATTGTTTTTTTTA
TATAGTAATATATAGCACCGGTTTGTATTTGTGAGTTCAATTATGGACATTGGTATCTTTTTGCACTTATTGTAT
ATAATTTGAGACTTACCAATATCGGTTTGTATTTGCGAGACATTATGTTTGCTTCCAAAACGATTTTAAATTT
TCTAGTTTCATTAAATTATTTTAATAATTTGGGCCAAATGTTGGAGGTGACTTTTAGTCAATCAGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_894 AF070941|Spinacia oleracea ribulose-phosphate 3-epimerase (RPE) mRNA, nuclear
gene encoding chloroplast protein, complete cds

TTTGGCGGTCTTTACATTATTCATGCTGGAGGGAACGAAAAGGGAAGAACAATTATCATTCTTCGAATCCTTA
CCTAATCTTCTAAACCCAGGACAGGGTTCTTCAGTGGAACCTCCAAATGGCTGTTGCTTCATTATGTCAATCCA
CTATGCAATCCCAAGTCAGTGGGTTTGTGCGAGGGCGCACTTTTCAGAAACCACCTAACTCTCAACCTTCATCT
CTTACCTTTTCGAGGAGAAGGTTCAAGAAATGTGGTGAAAGCTTCAGCTCGGGTTGATAGATACTCCAAATCTG
ACATCATCGTCTCTCCCTCAATCCTCTGCCAACTTTGCCAAATTGGGGGAGCAGGTGAAAGCAGTCGAACTG
GCCGTTGTGATTGGATTGATGTTGACGTAATGGACGGCGTTTGTTCCAAATATCACAATTGGACCTCTTGT
TGTTGATGCTCTACGACCTGTGACAGATCTTCTTTAGATGTGCATTTGATGATTGTGGAGCCCGAGCAGCGT
GTTCCGGACTTTATAAAGGCTGGTGCCGATATTGTCAGTGTTTATTGTGAGCAATCTTCCACAATCCATCTGCA
TCGCACCGTTAATCAAATAAAAAGTCTTGAGCTAAAGCTGGAGTGGTCTTAAATCCTGCTACTTCACTCAGCA
CAATAGAATACGTCCTTGACGTGGTTGATTGGTCTTAATCATGTCGGTGAATCCTGGTTTTGGTGGGCAAAG

CTTTATTGAGAGCCAAGTAAAGAAAATTTTCAGATTTAAGAAGATTATGTGCTGAAAAGGGAGTGAACCCATG
GATCGAAGTGGATGGTGGAGTCGGTCCAGCCAACGCATACAAGGTCATCGAGGCTGGAGCCAATGCTTTAGT
TGCCGGTTCTGCTGTTTTGGAGCCAAAAATTATGCTGAGGCCATAAAAGGAATCAAAACAAGCAAAAGGCC
GGAAGCAGTTCCAGTATGAAAGTGACTTGTACAAGATCTGAGTTGTTTCAGCTGATAGTATTATTGTGTTATTC
ATCCCCATAGAGAATCTCCAAGTGCACAGGTAGCAGAACATTGTGTTCTTGAAGCTCTTATCTCAACCATGGTT
ACCACCTCCACAGTTTTATTCCTTGTGAAAAGAAACCTGTAGATTGCCGCTTGAGATTTTGTATGTACTATAAC
ATCCCAGTATAAATTTGAGTACAAA

>trans_s_895 XM_002885931|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

AACCCATAATCTTCCTTCCATTTCTCATACAGATTCCCATATGGAAGTCGTTGTTGCTCCAGTCCCTCCTCCCGG
TGCCGACATCTTCAACTTTGGTAGCCCTTGCTCCTCCCATTATCTTTCTGCTCCTTCTACTCCCTTCTCCTCCCTCA
GTGCTCCCAAGCCCCACTTCGCTCGGCTTCAACTTCTCCGCCTCGACAACGATGTCGACGTTCCAATCGGC
TCTCCCTCTGCCGTCCCCTTCCACTGGGAGGAGAAGCCCGGCATCCCCAAGTCCCCCGACAATTGCGCCTCCGG
TGACGATCATGATTTTGAATTTATTGTTCCCGCCACTCCTTCTTCTCTAAACCTTCCATCTCCGCCGATGAGCTC
TTCCATGCCGGCAAGATCAAGCCGCCAAACCGCCGCCGGATTTCAGTCGAACATGTCGTCGCCAAGATCGC
CGCACAACCTGAGGCTATCGCCTCGTAAAAGCAAAAGCAACATCGACACGAAGAACATCAACGACGACCCAT
TTGAAGCAGCACTAATCAAAGAACTCATTGCCATAGGATCAATTACGAGCTCATTGATTCAAATGACAACAA
CGAAATTATTAGAGGAAGAACAGACAAAATTTCATACATTTCACTCTAATTTTTCTCGCAAACAACTCGATCTC
TTTCCCCTTTCAGACTCTCCTCTGAATCCGCACTCCACGGAGATGGCGCCAGAAAATCAAAAGCGTCGTCTTTT
TTGTGCGCGATTTTCGTTTTCAAAGACCAATAAGAAAGGGAGGCTTAGAGATTTGTTGTTTCGCAGTGCGTCGG
AAGGTCGGGCGACGGAAAAAGCCGAGAAGCTGAGGTCTACATACGGTGTAATGTCGGAAAAATTGGATGAC
GATGTGAAGATTTCAAGTTTCCGGTCAGAGGATAGTGGCGGTCCAGAATGCGCTAGACGGCGGCGAACCG
GGCGGGTTCTGAGGAGTTGAAGAAGAAGAGTTTTTGGCGAATAAACCGGGATTCTTGGGCGCTGCTTGCG
GATTAACCGGACCGGTATACAGGAGATTCTAGAGGAATTGGGTCATTGACACGTGGATGAACCGGCAAGAT
TTTTTAATTTGATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTAGCTCGGATTGATCAATGTAAGGAGTGATGTTCTTGTCGGTG
TTTGAAACATAAATAAATTCATG

>trans_s_896 FJ750460|Artemisia annua 2-alkenal reductase (Dbr1) mRNA, complete cds

TCGGTGATTGAGAAATTTTCCCACTAACCTTTCTTTATACGTCTCTCTAATGCCACGTTCCCTTCTCTTTAGT
TAATCACCTTTCACTACCTGTACCTCACACCATAAAAAGTTTCCTTTTCTGTATGAAGTATTGGAAGCAGCTAAT
GGGGTGCTTAAACCATTAGGAAAAGTGAAGTCAAGTACCTTTTTCAAAGCTTAATTTCAAATGGGGTTCTTTC
AAATTCATGAAGTTTCTTCTTCCCTCCCAATACCCAATACCCTTTATATTCCAATCTAACAATAAAAACGAGAAA
ACCAGAAAGAAAAAAAACCCCATCTTCCATTTCTTCTCTTATTCTTTTACGATCATGCAGAGCCACGGCGGC
GACGGCGAAGTAATCAACAAACAAGTAATTTTAAAAGACTATGTCACCGACGGCGCTTCCCCCAAAGAATCGG
ATCTTGAAGTGATCGCCAACAGAACCATTAACTGAAGGTTCCGAATGGCTCACATGGAGTTCCTTCTTAAGAA
TCTCTACCTTTCTGCGATCCCTATATGCTTGCTTGATGAACAAGTTCGAAAATGCCTCCATTGATATTGCTTC
CTTCACTCCCGGTTGCGCTATTAGGGGATATGGAGTTGGGAAAGTTTGGATTCCGATCATCCGAAGTTTAAG
AGAGGAGATTTGTATGGGGGAAGACAGGTTGGGAAGAGTATTCTATACTTTCAACCTCAGAAGCTGAAGCT
CTATTTAAATTTGATCACACCGATGTTCTTCTTATTACACAGGAATTCTTGGGGTGAATGGGATGACTGC
TTACGCTGGTTTCTTCGAGATTTGTTGTCCTAAAAAAGGAGAATATGTGTTGCTCTCAGCTGCATCTGGTGCAG
TTGGCCAACCTGTTGGCCAATTTGCCAAGTTAATGGGATGTTATGTTGTTGGTTGTGCTGGTAGCAAACAAAA
GGTTGATTTGCTGAAGAACAACCTCGGGTTCGATGAGGTTTTTAACTACAAAGAAGAGCCAACTTGGAAGCT
ACTCTAACAAGATGCTTCCCTGAAGGAATAGACATTTATTTGACAATGTTGGAGGGAAGATGTTGGATGCTG

CTCTTGGAATATGAGGAGGAATGGTCGTATTGCTTTGTGTGGGATGGTATCTGAGTTCAAAAAGACAAACC
TGAAGGTGTTTATAATTTGA

>trans_s_897 NM_127274|Arabidopsis thaliana ubiquitin family protein (AT2G17200) mRNA,
complete cds

GTGGGAATGCTACTAATAATGCGACAGCCAATACATCAACTACTACTTCTGATACGGCTAATGGGTCTCCATCT
CCAAATACAAATCCACTTCCAAACCCATGGTCCCCTGCTAGCACTGGTGGTACCCAACTAACTCTACAAGGTC
GAATCCCACTCCAAATGCTAGTGCTCAAGTTCCTCACTGGTTAGCTGGGCTTGGTCTTCCAAATCTTGAGGGCA
TGTTGGGTGCAACACCAGATGCTGCCGTTTTGAATCAGTTGATGCAAAACCCAGCTATTTACAAATGATGCA
AAGTGTTATGTCAAACCTCAATATGTAAACCAGATCCTTGGTCTCAACCCTCAATTGCGTGGCTTGCTTGATT
CAATCCTCAGCTCAGAGAGATGATGCAGGATCCTGAGTTTTTACGCCAGCTGACCTCCCCTGATACAATGCAG
CAAATGTTTACTATGCAGCAACAACCTTCTGTCACAGCTTGGTCGCCAGCCACCTTGAACCCAGGTCAGACCG
GTGGAGGCACAGGAGCTGCGAACAATACGGGGTTGGAAATGTTGATGAACATGTTTGGAGGACTTGGTGCT
GGTAGTCTAGCCGTGCCAACAGATCCGATGTACCTCCGGAAGAACTGTATTCTACGCAGCTCACACAGCTAC
AAGAAATGGGATTCATTGACAGACAGGAAAACATACGAGCACTGATTGCCACTGCAGGAAATATCCATGCCG
CAGTCGAACGATTACTGGGGAATTCAGGGCAGTAGTGGATCGATCCCATCGGCCATCGGTAGCAGCAACGCA
TTTGATGTGGCCCCATCAAGTGCTGACAGCTGAGGTAAGCAACATTGGAGGTGAAATTCAGTCGATTGAGTC
CAAATTTTTGGTATAGGAGCGGCAAAGTCGGGAAAACGGTCACTGAATTATATAAGGTCTCGAAGTCTTTCTC
AGGTTTCATGGAGTTCCTATAATACACATATTCTCTTTACATGATGACGAGGTGTCATATGAAGTGTGTGGAAAA
TATGTTTATTTTAGATAATATTTGTTGGTTCTGTTCTTTTGGTTCTTGCAATTGAGTTGATTGGAGTTGCTCTTT
GCTAATATCAATTCCTATGAGTGCACAATGATGCTTCTCACTGTCACTCTTAAGCGCTCTATCAATAGAATACAT
AGAATTTAATTAATTCTCTTTCTAT

>trans_s_898 AY651062|Musa acuminata BTF3b-like transcription factor mRNA, complete cds

AGGCTATCTTCTACCTCTTCAAACCACTGAGACTCAAAAACCTCAAAATCACCTTCAAGATGGATCATACAAAG
CTCCAGAAAAATGGCTGGTGCGTTTCGCACTGGTGGAAAAGGTAGCGTGAGAAGGAAGAAGAAGGCTGTCA
CAAGACAACCTACCACAGACGATAAACGGCTTCAAAGTACCTTGAAAAGAATAGGAGTTAATGCAATTCCTGCT
ATTGAGGAAGTCAACATTTTCAAGGATGATGTAGTTATTCAATTTACTAACCCGAAGGTTCAAGGCTTCCATTGC
GGCAAACACATGGGTTGTTAGTGTTCTCCTCAAACGAAAAAATTGCAAGATATCCTGCCCCGAATTATCAAC
CAATTGGGACCCGATAACTTGGAACAACCTGAGGAAGTTGGCCGAGCAGTTCCAGAAGCAAGCACCTGGAGCA
GGTGCCGGTGCTGCAGCAGCAGCAGCAGCTGCCAATGGTGAGGATGATGATGATGATGTTCCCGACCTT
GTCGAAGGGCAGACCTTCGAAGCTGCTGCAGAAGAGAAGCAAGCCTCTTAGATAGAGGAGCTCCAGATGAT
TTTGTTTAGCTTTTCTGTTTTTTTTTCTTCTTTACATAATTTAAAAATGTTTGGGAAGAGTTCCATTTTCTCCG
TGTATTTGTTTTGCTAATCTTTGTTCCCCCTCCACCTTGCTCACATGTAACCTCCCCGATGAATGGATTTTCGA
TTGCCTGCCCCGCCCCCTCCCCCTTCACTGCCAGCCTTAATTCCTCTGAGTAATGTTTTCCATATTTAATGTGC
GGAATTTATAGGAAAAATATGGGGATTAAAGTTTTAAGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCCAAAAAAAT
AAAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCTCCCCCAGGGGGGGGGGAAAAAACCCCCC
CCGGGGGGTTTTTTTAAACCCCCGGGGGGGGGAAAAACTTGGGGTTACCCAAAATAAACCCCTTGCAAAAC
CCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAA

>trans_s_899 XM_002894524|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata HNH endonuclease domain-
containing protein, mRNA

ATGAACTTTTCCGTGCGCATGTAATGTTCTTTTCGTCTTCCCCTCAACTACTGGGTTTCAATCTCTTCATCCCATG
AGCAGTAATCTCGACTTCCATCTCCATTGACTGTTTCGGAGGAGCCAATTTAGTTCTGAAATGGCGCAATTCA
CTGCACACAGTCGAGTTAAGTTGCTGCTTAACGGAGACGGTTTACCATGCGGTTCAGAATCCAAAGATCGGTT
CAGATACAAGCTCAGATCAGTACGAGCTCGCAGGTTTCTCTCTCTGCTCCCTCTTCTCTACATCATCTACTTC
AGCTTTGAGGAAATCCACTCAGCATGCTGCCGAGGTGCGTGTTGGTGTGAGGGACGAGAGCGTTACAGGCG
GTGACGACGCCATTGTTGGTTTTGACTATGACTACGAGTTTGAGTCTGACGATTGGCTTGCTTCAGAGGTCTC
GTCTTGATATTTCTACAGGCCAGTTAATGTTGTTTGTGGAAACGTGCAATTTGTTGGAGTTCATGGAAAA
GGCTGATGTTTTGGAATACTATGACCAGACTGTGAATCTCCAAGTGGATCCTTCTATATTCCAGCAGTCTTGC
GGGTTCCCCATTTATTGCAAGTTGTTAAGAGGAGAAGAATCAAGAACTCTTGAGTCGTAAAAACATACTTTAT
CGGGACAATTACACTTGTCAGTATTGTTATCCACGAGAGTTTGACCATTGACCATGTTTTGCCCATATCCCG
GGGTGGAGAATGGACGTGGGAAAACCTGGTTGCTGCCTGTGTAAAATGCAATTCAAAGAAAGGCCAAAAGA
CCGTAGAAGAAGCAAATATGAAGCTGAAAAAAACTCCAAGGCTCCTAAAGATTATGATATACTTGCCATTC
CTCTAACGAGTACTGCAATAAAGATGTTGAACTGAGAAAGGGAACCTGAAGAATGGCGTCAATATCTGTC
AAGTGAGCAATGACCATGTATGTACTTTTAAAGTGGTACTTGTAATTATTCTTGCACATATAGCACAAATTC
ACCTAATACTTGGTCTTCTAAGACTTCTTTATGTAGCACAGCACCTTCTAAATTTAGCATAATCTATTATTTGTT
ATTATTTGTTCCATAAGCTATGGTGTTACGGTTCGGTTAGTGAATCGGTTTCGGTTTTTGAAGACAAAAAAA
AATATAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_900 XM_002889297|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATSEC1A, mRNA

AGTTTTGGCGTTGTCCTCGCTACAAGATCCGGCTGGTTCGGTGCCGGAGACGGTCACTATATTCCGAGTTG
AAAGAACTATAGAACAAAACGCTGCCGATTTAGTCGTCAGATGGCAAGAAGTAGCTCCGACCACCGACGAAA
ATCTGTTTATGAGGCTACTTTTACAGCCAGTTTCCAGTAAAATAAAAAAGGGGACTCGAACAATCAGAGCCAC
TGTCATCGCTTGTTCTTGGGAAATCGGAAGAACTCGTTTCCTTATTGAAAAAGAATTCCCGGAATTGGGTT
TACAGAAAGAGAATTGTACTGAAATGAGTTGGATCGACTCTGTTCTTGGTGGGGTAATTCGATATCGGAAC
TTCACCGGAAGCTCTACTTGATCGGAATGTGATTGAGCAGGGTTTCTCAGAAGGAAATCGGATTACGTTTACG
AAACCCATTTCCAGAGATGGGTTGGATTGGTTGTACAAGAAGATGATAGAAATCGGCAAAACAGGGCTGGTG
TTCAACCCATACGGGGGAAAGATGAGCGAAATTCATCAACGGCAACTCCATTTCTCACCCTGCAGGAAATT
TATACAAAATCCAATACTCGGTGAACTGGGACGAACAGGGCCGGAAGCAGATCAGCAATTTGTGAAGCAAA
TAAGAAGGCTGTACAGTTTATGACCCATTTGTTACAAAGAATCCAAGGCAATCGTTCTTGAACCTACAGAGA
TTTAGACATTGGTATCAACAACAATGACAAGAACAGCTTTGAAGACGGAAAAGTTTATGGGTTCAAGTACTTT
GGTGAGAATTTGAGAGACTAGTGAAGGTGAAGACGGCTGTAGATCCAGAGAATTTCTTCTGGAACGAACAG
AGTATTCCAACCTCTTCAAGTAAGCCATGAGAGATGGTACTGAGATTTAATGTCGGTTTATCTACATTATGATT
TTTACTTACATTGCATTGTAATGGCAATGTGAGAAGATGGGTTATTTGATTTTAGTAACATACAAAAAATTAT
ATTGTTTTGATTAGAATGAATGTCTTGGTTTTTTTTGTGATGGAAACCAAAGATATTGATGTATGGACTTGATA
GTTATCTACAACATTTCTCTATACGTTTGTATGAAAATGAGTTAATGGTAAAACATAAAAAGTTTCTGGCACTG
GAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_901 AJ583008|Populus tremula x Populus tremuloides partial mRNA for ABC transporter (abc1 gene)

AAGCTTCTAAATCTTGCTGGACTGGGTTTTACCAAGGATATGCAAGCCCGATCCACCCGTTCAATTTAGTGGT
GGATGGAGGATGAGAATTTTATTGGCTCGGGCTCTTTTTGTTTCAAGCAACACTTCTGTTACTAGATGAACCCAC
AAATCATCTAGACCTTAGGGCTGTTCTCTGGTTGGAGGAGTACCTTTGTCGGTGGAAGAAAACCTTTGTTGTT
GTGTCTCATGATCGAGATTTCTCAACAGTGTGTTGCAATGAAATTATTCATCTTCATGACTTTAGGCTTCATTTT
TATCGAGGCAATTTTATGATGATTTTGAAGTGGGTACGAGCAGCGTCGGAAAGAAATGAACAAGAAGTTTGAG

ATATATGATAAGCAGGTAAAGCAGCTAAAAGATCTGGAAGTAGGGCGCAACAGGAGAAGGTGAAAGACAG
AGCAAAATTTGCTGCTGCTAAGGAAGCCTCAAAGAACAAGTCCAAGGGAAAGGTTGACGAGGATGAGCCCCCT
GCCAGAGGGCCCCTAGAAAGTGGAGAGATTACAGTGGAGAATTCCATTTCCCTGAACCCACCAAACCTCACCCCA
CCGTTATTGCAGTTGATTGAAGTAAGCTTTAGCTATCCAAATAAAGAAAATTTTAGACTTTCTGATGTTGATGT
GGGTATTGATATGGAAACGCGGGTTGATATAGTTGGGCCCAATGGAGCGGGGAAATCTACTCTTCTGAACCT
GCTAGCAGGTGATTTAGTACCAACAGAAGGGGAAGTACGTAGGAGTCAGAAGTTAAGGATTGGGGAGGTAC
TCGCAACATTTTGTACACCTTCTGACAATGGAGGAAACACCAGTTCAATATCTTCTTCGTCGTCATCCTGACCAA
AAAAGTCTAAACAAGCAGGATGCTGTTCTGTGCTAAATTGGAGAAGTTTGCACTTCCAAGCCACAATCACCTCA
CGCCAATTGCTAAATTATCTGGGGGCCAAAAGCCAGGGTTGTTTTTACCTCAATTTCCATGTCAAAGCCTCACA
TATTACTGTTGGATGAACCAACGAATCACTTGGACATGCATAGTATTGATGCACTTGCGATGCCTTGGATGA
ATTACCGGCGGAGATGTTCTGGTTAGACATGATTCACGACTCATTTACGTGTGTGGGAGAATGAAGAAAAA
AGTGAAATTTGTGTCGTCGAAAATGGCACT

>trans_s_902 XM_002887573|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T4O12.13, mRNA

ACACATAATTTAACATCAAAATATATTTACGATGTCTTTACTTCATCTGACGAAACCTCCTCCTCCTCCTTCTTCT
TCAGTACTGAAACTCAAGGTTTTTCAATGTCTCCTTCTTCCCTTGCTTCTCCAACGCCCTGTTCTGCTGCTGCAA
AGAATATTATTCTCCCGTTACTCCGTCCCTGCTGTTTTTGTCTTTGGGGATTCAATTGTCGACACTGGCAACA
ACAACAATCTCATTACTCAAGCTAAATGTAACATATCCGCCTTATGGTCGGGACTTCGCTGATGGACGCCCAACC
GGCCGATTTTCCAACGGCAGGGTTCCCTCCGATCTACCAGCAATATCACTTGATGCTCAATTAGCAATGTTTAG
AGAATACAGAAAGAAGATAGAAGGACTAGTAGGAGAAGAAAAGGCAAAATTCATAATAGACAATAGTCTTTT
CTTGGTGGTGGCTGGAAGCAATGACATTGGCAACACATTTTATCTAGCGCGATTTAGACAAAGTCAATACAAC
ATCGATACCTACACCGATTTTATCGAACCAACATCGCTTCGGCTTACGTCAAGGACTCGTACGCAGCCGGTGCA
CGGAGGATCGGGTTTTTCGCAACTCCGCCGCTCGGATCGTTACCGTCGCAAAGAACTTTCGGCGGGAGGGGA
CTCAAAGGGCATCGTGTGAATGAGTATAACGATGCTGCAAAGCTTTTCAACGGGAAGTTGCAAACCTACTTTGA
GTTACCTTCAAAGTACACTGCCTGATAGTAGAGTGGTTTATGTGGATATTTACAACCCTCTACTTGATGTCATCC
AAAATATGCGAAATATGGATTTGAAGTAGCAGATAGAGGATGTTGTGGAACAGGAACGATTGAGGTGACA
CTTCTTTTGTAAACAACTTTGTGAAAACCTTTGTCTGATACCACAAAGTATGTGTTTTGGGACAGTTTTCATCCT
TCAGAACTACTTACAACCTGCTTGTCTTCCATCATCAAAGATACATTTCTAGCTTCTATAGTTTTCCATTT
ATTCCTCAAACGACTCTTAATTTCTGAAGTGTAACATAAATCACCTTCTATATATTTCCCAATCTCAACTTCAT
TGATATGTCACATTCCATTTGAATAAAATATGCCTATTTATATCTAAATATTATTTGGTGAATTATGAGCTTTA
GTGGCGGTCTTT

>trans_s_903 NM_001160783|Arabidopsis thaliana metalloendopeptidase (AT4G20310) mRNA,
complete cds

ACTGACGGAAGGGGACGTGGCGGCCCAATGCCAGGAAGATGGAGGCGAAGTAAGAGATCCATGGCTCAGG
TCGACGTTACGCTCATATTCCTTCCCTACTTCCGCTTACCACATCTCGCAAAGGTATTTCAAATGCCATTTCTG
CTGGTACTGCGATTACAAGATCACCTCGTTCAACGAACCTATTTTCCAATTTGGACGAAGGCATGCCAGGGCTC
TGAGAACATGGTTCTCGATTGGGATTGGTTTCTCTCTTGCCGCTCTTGCTGTTGTTGCCACGGTTCTTTTCGGG
AAACTAAAATCATCATGCATATTTTGTCAATAGCAATGTGATTCGTGGACTTCCTATTTCTGTTCTCTGTTATT
TGGTCTTCTTCTGTTGATTTCCAGCTGTAGTTTTTCCCTGCTGGTGGTACATAATTATCTCCACCTTAATA
TCTGTAGCTTTTTCATGAATTTGGTCATGCTGCTGCTGCAAGTGAGGGCGTGAAATTGGAGTATGTTGCTG
TTTTTATTGCACTCCTTTTCCCTGGTGCTTTGGTGGCTTTCAATCATGATGCACTGCAGGATTCATCATGCTTCA
GTGCTCTTCGTATCTACTGTGCTGGTATTTGGCACAACACAGCTCTTTCTGCAGCTTCTGGATTGATATTATCT
TCCTGCCACTGATTCTGTTTCTCTTTACATACATGGCCAAAGTCCCATGGTTCTGGACGTTCTTATACTTCGC

CATTGTCTAATTATTTGTCCCATGGTCATGTAATTCTGTCATTGGATGGCATGCACGTTACAGTGTGGATGAT
TGGATCAATCTATCGGCTGAAATAAGTGAATTAACATTTCAAATGAACTCATTCCAGGCTTGGTGAAAACA
ACCTAATGGCCAATGGCAGAAGAGGATATTGTTTTCCAAATTTATGTTGAAGGAAAGCAATAAAGTTCAGTT
CACACATGATCAAGCAACTGTATTGGCGACTTTACTTCTCTACATCTATTCTTGTGTTAGTTCTACTGGTTTA
ATTGATGGTTATACAGAAGATAACAATTCTAACCGCAAAGAAGGGATATATTGCTTGAATGTCAATGATGTTA
TGAAGCTTAATAAGTGCTCTAGTTGGGATAAAGCAATAATCAATGATAACACTAGCTCCTGTATGTGTTACG
GGATGAACTTG

>trans_s_904 NM_104387|Arabidopsis thaliana RNA binding / ribonuclease III (AT1G55140)
mRNA, complete cds

AAGTAGAAAAAAAAAATGGTAACTTTATCGGCGACTTCGACGTCCATCGTTGCTTCATGGGACACTCAACAGA
GGCTTTCATACAATCCCAATACCCCAAGAAACCCCAACAAGAAACCAATTCTCTTCTCCTTCGCCAACCTCAC
AATCCACCGGAAATGCAACCTTAACCGCAACGACCATTGCAACCGACCAAATTGTCTCCGACCTCCTTAACCGT
CGCAATCGCAGCTCAATTGAAGGCTGCAAATTGGAGGAGCCAGATGGTCTCTATTTGGGATATGATCAGTGG
TTGCCAGATCCACCAAAGGTACAGAAGCCGCGGTCTGTGTTCAATGCAGCTTCATTAGCATATATTGGCGACT
GCATCTATGAGCTATATGCTCGCCGGCACTTTCTGTTCCCTCCGTTGAGTATCGAAGAATACAATGACCGTGTT
ATGGCTGTTGTACGTTGTGAAGCACAAGATGTTCTACTGCAGAACTTCTAAATGATAATTTTTTAACAGGGGG
AGAGAGGGACATCCTTCGATGGGGAAAAAATGTTGGTTCCTCCTCTAAAACACGAACCAAAAAACGTGCTGG
TGCTGCAGATTATAATCGAGCATCTTCGCTAGAAACCTTAATTGGTTACCTTTACCTGAACAATGTGAAACGAT
TGGATGAAATCATGCAAAAACCTGGCTTCTCAACTGATTCATCCTTGCAATTGATTCAGAGGAATCAAATAGT
GATCAACCAAGGACGTTAGGTGATGAAGAAACTCCTGATTGTCGTTGAGCTAAACCATGGTACTGCGCTAAT
ACTTCAAAACAGATTAATCCATTGATGTCTTTACAACCTGGTCAGAAATCAATTTTCGTGGCTATTGGTTCTGCAT
GCTCTCTGCACATCGTCCACCTTTCTTTCCAAGTCGAAAGTCTTGTCAAATAGGCATGTTTAGTTGACATTTT
TGTTACTGTTCTTGTCTTTGTGTGAGTTCTGTAATTATTCTATAAAATTCAGTAATCACTTCCCAGTTCCCAC
TTATACCATGTTATATATTTTGATGATTTCTCCAATTTCTATCTGTACCAACATTGCATGGAATAGAGATACCAC
ACCTTATAGGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_905 CT029795|Poplar cDNA sequences

CTCCGTCGCGTAATTTCTGTGTCTTTTCCTTGCTGCCATTTCTTCGTTTCTTTAAGGTCTAGTTTCTAGTTTGATT
GGATTCCATTTGCGGATCTTCGATAACTATCGAGTTTTTTTTGTTTGTGTGAGAATTCATCGGAGATCAATTTG
TAGAAGAAGATTTTAGAGTTTAATCGATGGATGCCGATTCATGGGATGCTCCTTTTCAAGTTTCGCGACGCTAC
CGATCGCGGTCCGGCGTGTATCAGGGAGATCATGAAGAAATTGAAGAGGACAATTCAGAGCTGAATTTTAA
TGTCCTTTTTCGCGCGAGGATTTGATATCGTAGGTCTTTATTGTCACGTCGACGAGGAGCACCCGGTGGAAG
TCAAGAACGCGGTATGTCCACTATGCACAAAGAAGGTGGGGATGGATATTGTTGGCCACATCATCTCACAACA
TGGGAGCCTTTTCAAGGTGCAGCGACATAGGAGATTGCGAAAAATTGGATCCAATTTGACATTTTCAAAACTG
AGAAAAGAGCTTAGGGAAGGAACTTGAGATCCCTTCTTGGTGGTCTTTACACTCTGCACCAACAAGTACTG
AGCCTGATCCATTGTTGTTTTCACTTCTAATCTGCCTACGGTCAGTAAACCTGACAGGGTGCAGCCTCAG
TCATCAGCCGAAGTAATTTTCGTCAAAGGAAAATCCTAACGTTCTTCAGAGAGGAGCAATTCCTCAAAGTTGG
CGGCTTCAAATAATAAGGATGTAAAGGAGAAGGCTCAGAAATGTGAGTTTGTACAAGGGCTGTTGATGTCTA
CTATTCTTGATGAGTTATGATTGGTTATAGTTTCGTCGGAGGAGGAGACCTTGCCAGGTAAAAGTACGTAACC
ATGAGTAACCATGAGCGTAGGTTATCGGGATGGATCAGTCTGATTTGAATGTTGCGGCAGGTGGCACGGCAA
TAGTTATTAGGTAATGTAAACCATGCAAGGTTCTATTATCCAAAAGTATATATGTGCATAAATGGAAAGATGG
AAGTTCTTCTTTATCAACATTTAGTACTATGATATGATAATGCAACTCTTAATCATAGATAACTCTCCCGTTCCC

CTAGAACTTAAAGAGTTTGCTTGGGAAAATAATGTTAATTTCAAGCTATTTAAAAGGCTACCTTTGCTTAATAT
ATATGTTTGTAGGCTTTGGTG

>trans_s_906 DQ849630|Phelipanche ramosa methionine synthase (met1) mRNA, complete cds

AATCATCCCCAAGAGTGACAAATGAGGCCGTCCAAAAAGCTGCTGCTGCTCTGAAGGGCTCTGACCACCGCC
GGGCAACAAATGTAAGTGCCAGGCTGGATGCTCAGCAGAAGAAGTTGAACCTTCCAATGCTGCCTACAACAA
CAATTGGATCCTTCCCTCAAACCTATGGATCTTAGAAGAGTGCGACGGAATTCAAAGCAAAAAAATCTCTGA
GGAAGACTACGTCAGCTCCATCAAGGAGGAAATCAATAAAGTTGTTGAGCTCCAGGAAGAGCTCGACATCGA
TGTTTTGGTGCATGGAGAGCCCGAGAGAAATGATATGGTTGAGTACTTTGGAGAGCAACTGTCTGGCTTTGCC
TTCAGTGTCAATGGTTGGGTCCAATCCTATGGGTCCCCTGTGTTAAGCCGCCTATCATCTATGGTGATGTCAG
TCGTCCAAAACCCATGACCGTCTTTTGGTCGACAATGGCTCAGAGCATGACAAAGCGGCCTATGAAGGGAAT
GCTTACTGGTCCAGTTACAATTTTGAAGTGGTCTTTTGTTCGGAATGACCAACCAAGGTTTCGAGACATGCTACC
AAATTGCCTTGGCAATTAAGGACGAGGTTGAGGATCTCGAGAAAGCTGGTATTACTGTCATCCAGATTGATGA
AGCAGCACTGAGAGAAGGTTTACCTCTCCGAAAATCCGAGGAAAATTTCTACTTGAATTGGGCTGTTTATTCTT
TCCGAATCACCAACTGCGGTGTTCAAGATACCACCCAGATCCACACCCACATGTGCTACTCGAACTTCAATGAC
ATCATCCATTCTATAATCGACATGGATGCTGATGTGATCACCATTGAGAATTCCAGATCAGATGAGAAGCTCCT
GTCTGTCTTCCGTGAGGGAGTAAATACGGTGCTGGAATTGGACCAGGAGTCTATGACATCCATTCTCCCCGT
ATTCCTCGACTGAGGAAATTGCCGACAGGATCAACAAGATGCTCGCTGTTCTCGAAAGCAACATCCTCTGGG
TGAACCTGACTGCGGTCTTAAACCCCAAAGTACACTGAAGTCAAGCCCCCCCCCTCAACATGGTTGCTGC
TGCTAAGCTCCTTCGCTCACAATTGGCCAGTGCCAAATGAGTTTGAGAATGCGGTGGCAAACCGTANGAAGA
AAAGCACTTCAATTTTCAATAAGATTTT

>trans_s_907 BT025652|Arabidopsis thaliana At1g06460 mRNA, complete cds

ACTGATCATCACTTCTTCGCTACAAAGCCCTTTGACACCTTCCTCTATAAACCGCTACAGTTTCATTTAATCTCAG
GCTTTTCGGTGATATTCTCATGGATGACCACGCCGGAACGTAAGTCTGACGTCCTTGCCGCTCACCTCACTC
CCGCCCCGATATTTCCCCCGCACATGGCCACCTTCTCCCTGCGAATTGTTGTAGCTATGGAAGTTCTGTCACTC
GAAGGTGCGATAATAAGACGTACTTTGCAAGACAAGGATCTGAAGCTTGTGGTGCTTATATGAGGCAAGCTT
CAACTACAGAGGGTAATCGACGTTCTAATTCTCAGGCGTATCCGGATGCCTCTGAGAGACCATTGTATTCAAG
ACCTGTAAAGGAAGAAAGGATTCCAAGTCAGAATTTCAATTTGATTGCATCTGAACCTCCACTTTTTGCAAGG
GCATGTTTGGGAATCAATGAGCAAAATCACAATTTCAATTCGAGACAAAACAACCGTCTCTGGATCAAATG
GAATCGGTGGATTGTTTCCGAGGATGGATGTGGCAGAATCTGCACGAGGTTATGTACTGACCGTGGAAATCC
CGGGAGTCAAGATCAATGACATTAGAGTTGAGGTCGATGACCAAAAAGTTGACTATAATCGGCAAACGCTCAA
ATCAGTACTGTGAAGTGGTAGGATACTCAAGCGACTCTATCTTTCATATCACAAGAAAGAGATCTTACAAGG
ACCTTACCAGGTTGTGTGGCCACTTCCAATCAATATCAACAAAGATGGAGTATTAGCTGAGTTCTGGGATGGA
TTACTGCGGATTACTCTACCAAACTCTGAGTTGTTTTCTCACAGGCAAACATATGTGAAGATATATGGTATG
CTCCAAATTGCTCCACCCCTAAACCCTCCAGTATCTTCGTATCCATACATCCCATAGGTGAAATATCCAAAGACA
GTTTATTCAATACATCTACAATGTTTCATATGAATCAATGTGGATTGCTGTCTAAATATATATCTATGTATATCTA
TATCTTCTGTGACATGTCTGGTTGTGCAATGTTGTTATTGGAAATTCGTTTGGCTATTGTTATGATGGTTTTTG
TATTCGACCTGTAGCTGAAGTTGGCTTATGTTGTATCATATTTTAGTTCCAATAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_908 XM_002892356|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription factor IIA large
subunit, mRNA

TCTCCTCTTTCCCCCTTCTCTCTCTCCCTTCTTTCCCTCTCTTCTCTCTCTCTCCTCTTCTCCTCCCCCTTCTCCTC
GCCCTCCTCCTCCCTTTTACTTCACATAACTCTACCAATCCAAGAACCTTATACGGATTCCATGGATCTTCTCCCT
TGAATTCCTCTCTAATTTTCTCCCAACTAGATTTTTTCTGGGTTTTGGCTTGTGGAAGGAATCCGAGGTAGA
CAGAGCGCGAGGCGGATCCGTTATGGCGACTTCCACAAGCTCTATCTACATCAATGTCATCGAAGATGTTATC
AACAAGCTTCGTGACGAGTTTGTGATAATGGTCTGGAGAAGACGTTCTCAAGGAGCTTCAAGGAATGTGG
GAGGCGAAAATGATGCAAGCGGGTGTGTGACTGGTCTATAGAGAGGTCTGCACCATCTAAGCCTACACCC
GGAGGACCGATAACTCCGGTTCACGATCTTAATGTACCGTATGAGGGTACTGAAGAGTACGAAACTCCCACG
GATGATTTAATCTTTCCACCGACGCCACTACAGACTCCAATGCAAAACCCTTTACCGGGGACTGCTGACAACGC
GATGTATAATGTTCTACTGGACCCAGCGACCACTCTGCATCTGGAAGTATGCTTCTCCAGCTGCCACCACTC
CTGGGGGTAGCGGTAATAATAATGTTGAGGTCAGATCTGGAAGGCCAACCCCATATATGCAACCACCCTCTTG
GATGGGTCAAAGAAGCTCTGTAGACGTTAATATTGCCTACGTGGAGGGGCGTGAGGAAGCAGACAGGGGAG
CTGCTGGCGCTCATCCATCCCTTACACAGGACTTTTTCATGATGAACTCGGGGAAGCGTAAGCGTGATGATTTT
GCTTCCCAGTACCAAGCTAATGGGTTTATACCTCAGCAAGATGGAGCTGGAGATGCTGCCAATAGTGTTCG
AGATTGAGATTAGTGGATGCAATTCTTCTGATGGAAGGCCTGGCGTTATCACTTCTGCAAAGAGTGCAACATC
ATCATATATTGAAAGGTCATTATTGAAGATCCACAAGTATGATGGACCAATGCCTGATCCTTATGATGATGTGC
TTTCAACACCTAATATATACAATTACCAGGGTGTCTTTTCATGAGACTACAACATAGCAAATACACCAGCACCT
AATGACCCACAGCTGGAA

>trans_s_909 EF426861|Solanum lycopersicum WPP domain-interacting protein-like mRNA,
complete sequence

AAGGTCTGTTACGGACGATGGGGACAACAGCGATGGCGCTTATGCAGGTGATCAACAATTTAGTGAAGAAGC
TGAAACTGCATATAGGAAAGAGGATGAGGTAGAAGCTGAAGATGTTACTCAAGATAATTTGGCAGCGGACTT
GTCTTGGGAAGTTAAGGATGAAAAGGATAGGAATCACTGGTCACCTTTGAATAAGGATCCCATGGATGAGTC
TATTCTCAGCCTCCAGTCTGCGCAACATGCGCTTGAAAAAGAAATCAAGAAGCTAAGGGAGATTGGAAAGGA
CGAGATAGCATCTTCCAGCATAATCAATGATGCCGAACCTTCAAGTTTTGCGCATGACAACCTAGAAACACAA
AAATCCAGTTCGTCTTTCAAATGGGTCCCGGGAAGGCTGCTACAAGTTCCTCTGAAGCCACAGTTCTGTGCTT
GACAGGAAAGGTGAACTTTTTGGAGACCAAATTAGAAGAGACGATGTCCATACTCAAATCAAAGGAATCCCG
AGTTGCTGAACTGGAATCATCCATTAGCACCAGCAAGTCACCCAAGCAGGAAGAAGTAATGGAAATAGAGAA
GGAATTTGAGAGGTTTTTTTAGGCAAAGACTCGAAGCAGAAATTGAATATTTGGCAATAGTAAGAGCAATTG
AGAATCTACAATGTGGAATAGTAGTTGATGGTAAAAAGATTTTGGCTGATGAGCAAGTAGAGGTGACGAACA
GACTTAGAGAAGCTGAAAGTAAAGCTACAGCGCTTAAGAAACGAGCAGAGGGATTGGAAAAATACTGTGGT
GATGTATTGAAACCGAGGAGGTTTTGACGACTCGAGGGGAAGTATTCAAGGTTAGTTCTTGTGCATTTCTGC
AGTTGATACTCTTGATCCTCGTCCTTTGGCTCTTTGTCTTGCAAATGCCTTACCTGCTGAACTAGTTGTACCA
CATAATTAAGCCTAGAAAAAGGAGATACATACCTTTGAATTGAACAGTGTTTAACTAAACGGTTTTTTTCTTT
TTTTTGTCCCTTTTATCATTGTGCGTAGAAAAAAAATGGAGGAAAAGGAAAGGGGCAAGTAGGAATCTCA
GTTGTAAGTTGTTAATGGGTTTTTTGTTTTCTTTTCTTCTGCTGTAAGTGTGTAGTCATGATTTTTTG
ATAGACACTAATAGAGCTCTAAAAACGTTTGCA

>trans_s_910 NM_118359|Arabidopsis thaliana ATCES1; catalytic/ hydrolase, acting on carbon-
nitrogen (but not peptide) bonds, in linear amides (ATCES1) mRNA, complete cds

TCGGAGCTTTATTTAAACAACAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAGCAGCTGGTCTTCGT
CCCGTTCTTCCTTTGAAGGCGAAGACGGATTAGACTGATCTGTTTCCCGTCCAAATCTGAGAAATGAACACCAA
CAAAAGACTCGTCTTCATCAGCTAAAACGGATCTTTTGGTGAATATTAACGGAATCTAAGGCGACAGTGGTGG
AGGATGGCTGATGGAATATCAAGTTTCTGGGGTCTGTAAACATCTACGACAGAGTGCTGCGAGAGGAATTAT

GCTTATTCTTCTTATATTGCTGAGTTTTATAATACGGTCTCAAACATCCCAACCATTCTTTTGGCTCTGATCGGTC
TTGCAAATGCCTTGCAGACAGCGTTTCGAGAAGAGATTTAGTGTGCTTCACATATCAAACATGATACTAGCCATT
GGTAGTATGTTCTACCATGCCACATTGCAAAAAGTGCAACAGCAAGGTGATGAAACACCAATGATCTGGGAG
ATGCTTCTTTACATGTACATTCTCTATTACCAGATTGGCATTACCGAAGTACGATGCCAACGTTTCTTCTCTCT
ATGGAGCCATGTTGCTGTGGCTCACTCAATTCTCGCTATGACATTGGTTTCAAGGTGCACTATGTGATTCTC
TGTCTCCTCTGCATACCTCGGATGTACAAATATTATATATACACAGAAGATGCTTCGGCTAAGCGGTTAGCGAG
GCTGTACTCATTGACTCTTCTTAAAGCACTTTCTGTTGGGTTAGCGATCGGGGTTTGTGCGAGAAGATATCAC
ACTGGATAATCAATCCTCAAGGTCATGCCCTGTGGCATGTTTTCATGGGTTTGAAGTTCTATTATGCGAACACA
TTCTTAATGTTTTGCCGGGCGCAACAAAGAGGATGGTCCCCTAAAGTACTTCATTTAATGGGAGTTCTCCCCTA
CGTGAAGATTGAGAAACCAAAAACACAATAAGAAGACAAGACAGGCAAAATTTGACCTATGTTGAGTGTTT
CCATGGAAGTAGTGAAATTTAAAAGAAAAAAGAAAAAACAATCTTTTTTGGCAAGTTTGTTCTTT
TCCTTCTTTTCACTAAAGAACAAAAAAACTTAAATTTTTTTGAATAAAAAACACTTATGTATTTTGTTAATTG
ACGTGGGGCATTCTTATT

>trans_s_911 NM_123907|Arabidopsis thaliana CLPP4 (CLP PROTEASE P4); serine-type
endopeptidase (CLPP4) mRNA, complete cds

AATCGTCTCTCCACTTTTTCTCCGTTTCAGAGGTGAAGCAGAGCAGTGGCGTAAATCCATGGAGCTTCTTGCA
CGCTGTTCAACTCTTATTCTCAAGCCTCCTCTCTCGGCCTTCCCAATTCTCATGGAAAACCATCTAATTTCTTCC
CCAAGCTCAAATCCACTCTTTCTTTCTTCGGCGTCATCAGTACTCAAACAACCGCTCTTAAACCCTCCAGAA
CCCTACCTCCGCCGTGCTCCGTTATGACGGCTCCTCAGACTCCGGATGCCTCCCGGAGAGGGCGCTGAAACTGA
CGCCATGGGATTGCTTCTCAGGGAGAGGATCGTCTTCTTGGGGAACAGCATTGATGACTTTGTAGCTGATGCT
ATTATCAGTCAGCTCTTGCTCCTGGATGCTCAGGACTCTACTAAAGATATCAGACTCTTCATTAATTCCGCTGGC
GGCTCTCTCAGTGCTACCATGGCTATCTACGATGTCGTACAGCTTGTGAGGGCCGATGTCTCCACTATTGCACT
AGGCATTGCAGCCTCAACAACCTCCATAATCCTCGGTGGTGGCACTAAAGGAAAGCGCCTCGCAATGCCTAAT
GCACGTATCATGGTTCATCAACCTCTTGGACGAGCGAGTGGGCAAGCAATAGATGTGGAAATTCAAGCACGC
GAAATCATGCATAACAAGAACAACGTTACAAGAATCATCTCCGAATTCAGTGGCCATCCATTTGAAAAGGTCC
AGAAAGATATCGATAGGGATCGTTATATGTCGCCCATAGAGGCTGTAGAATATGGATTGAATGATGGAGTAA
TTGACAGAGACAGCATTATACCTCTCGTGCCAGTGCCCGAAAGAGTGAAAGCAACTTTAAATTATGAAGAAAT
GAGTAAAGATCCCAGAAAATTCTTGACACCAGACGTCCTGACGATGAGATATATTAGTTCCGGACGTAATGA
CAAATCTTTCTCTAGGGCTTTGATTTAAATGATTTACATGTAGGATCTTATGTGTAAGCAAAGTCATGGTAGGT
GGAAAGCAGAGATATGATGGAATTTAATGAGCTAATCATCTTTAGAGTTTCGACTTTTGGCGAAATGTCTCTA
CTTACCAGAAGTTAAAAAAGGTATTGGGAATTCGGAATCTTTTTTTGCTATGACATTTTACATGAGCAATG
AGGATGAAAAAAATTGATATT

>trans_s_912 AY113009|Arabidopsis thaliana AT5g59210/mnc17_100 mRNA, complete cds

ATCCTCCGTTTTTCTAAACGAATACTACCTCACGCTCGGATCTCGGGGACTAAGAATCGGTTCGGATTTCGTGTA
CGCTCGTACGCACGCTAAGTGCTCGCCGAATAAGGGGAATCTGACATACGTAGCTTGTTTTTCCAAAACATTTT
CTTATCCCTCGTCGTTCTGGTTAGTGATCTAATCAGTGATGCTCTTTAGACTTCATTTTAAATTACAGCTGACTA
GCCTTTCTGTAGGTGAAAGACTGTCTAAAGCAAAATGAAGCACTTCGCAGAGTTCTAGACGAGTTGAGAACAA
GAACAAGCAAGGAGTCTGCCGATATCATATAGAGATGGGGCAGTTGAGACCCAGACTCCCTCATTAACAGCT
GAACTTCTCTCTCTCAAGGTTAGTCTCTTGCTTAGGATGCATTTTTCTGCCTTTTTTCACTTATATGTCACAATGA
AGTTGGAAGTTCTTTCAGGAAGTTGAATACTTAGCCGTATGTTAGTCAAGTGATCACTGATTATGGAGGAAGT
ATTATTTCTTCTATAGAATCTTTCAGCTGTACTTTGTTAGACTGTTACCTAGGTTTCTTTCTTCTACTTTNAGGGT
GGTTGTCTAAGTATTCATTATGCTAATAATTTGATTTTCTATAATTTCTTTGAAGGGTCAACTTGCAAAAGAAC

AGAGCAGAGCAGAGTCACTATCGGCAGAAGTATTGGAGCTGTCGACACGACTCCAGCAGGCTACACAAGCAT
ACAACGGGCTTACACGCCTCTATAAGCCAGTACTGCGGAATATTGAAAGCAGCCTTTTTAAGATGAAGCAAGA
TGGATCTGTTGTTGAAGCTGAATACATCTGTATGCCCTTGGAATTTGCATAGAACTCTTTGGTCAAAATCA
GCGTGTCTGAAGTTGAACAAGCATAGCATGGACGAGGTTTCGATGTAAGGTTTATCATATGTCGCATATTTTTT
CATTTTGTAAAGAAATTTATACCCACACCAACCAACAGGCCCTTTTGGGAATGTCCTTTTAGCTTTTGGTAGA
TTCCAAACCAAAGCTACAGTATAATCATATTCAGTTTGTTTATTGAACTCAATAGATCATTCTTTTAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_913 XM_002876454|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein farnesyltransferase subunit
A, mRNA

TAGTATCGTACGCCGTACGGTCTCGGAGGGTTGAACTACAATGGGAAGTGGAAGCAGAATCTTCTTACTCAT
GGAAGTGTACACGATCCCTAATTACCTTCCACTCAAACCTGATTCTTCATCTTTCCTCAACTTTTCTGGTTTCGA
TTGCGTGTTCGAGCAATATCGATGGATTCGATGATAGTTTACCGATCAGCGAGCGACCGGAGTGGTACG
ACGTGACTCCGCTTCCGCAGGACGATGGTCCGAATCCGATTGTGGCGATCGCCTACAAAGAAGACTTCTCTCA
GCTCATGAGTTATTTCCGAGCTGTTTATCGAGCAGATGAGCGTTCTCCTCGTTCTCTCCACCTCACTGCTGAAG
CCATTGCTATGAATCCTGGCAATTACACTGTCTGGCATTTCAGGCGTTTGATACTCGAGGCTCTTAATGTTGAT
TTACATGATGAACTAAATTTCTTGACAACATTGCTGAGTCTAACACCAAAACTATCAGATATGGCATCATAG
GAGATGGGTTGCTCAGAACTGGGAACCAATGCGGCAAAACAAAGAGCTTGAATTCACCAGAAAGATTATCTC
CCTTGATTCCAAAATTATCATGCTTGGTCTCATAGACAGTGGGTTCTTCAGGCTCTGGGTGGATGGGAAGGT
GAACTTGACTATTGTCACGAGCTTCTAAAGGAAGATGTTTTAATAATTCTGCATGGAATCAGAGATACTTTGT
CATAACCAGATCTCCCTTACTGGGTGGCCTACAAGCCATGAGAGAATCTGAAGTGAATTATACTGTTGAAGCC
ATTCTTGCTCATCCTGAAAATGAGAGTTCTTGAGATATCTGCGTGGACTTTACGCCGGTGACACACAGTCATG
GATTATTGCTTCTCAAGTTTCTTCGGTCTGTTTGAAAGTTTTGAAGAGTAAATTAACTTTTTGTGCTTTGAG
CACCTGTTGGATCTTCTCTCCATGGTTTCCCGTCAACCAAGAGTTCAGAGATGCTGTTGATGCTTTGAGGG
TACCAGACGACAATCAAACAGATTCCAACCTAGCCAAACTGTATGTTTAATCTTGGAACGTGTTGATCCAATC
CGAGTTAACTATTGGCTCTGGCAGAAGAGCAAGCTCCCGCAGTAAAAGTCAATTCATCAGCTTATTTTGGCC
ATCCTTGAGGTTCAATTTA

>trans_s_914 AJ544830|Cucurbita pepo mRNA for Nod26-like protein (NIP1 gene)

TCCTTCAAAAATCAAACTAATTATTCAAACATATATTAAATCGCTCCCAATTTTTCAAATTCCTAAAGAAATG
GCGAGACGCAACGACAATGAAGAAGCCTTTATTGCCTGGGAAACGAATGCTCTGATCCTCAACCATCCTTGT
TCCGCGACCGATTGATGAAGTTTACCCACCCGGGTTCTCACGAAAGCTTGTGGCGGAGGTGATTGCTACGTA
TTTGCTTGTTTTGTGTCGTGTGTTGTGGCGGCATTGAGTGGGAGTGATGAACAGGAAGTGTGAAGCTTGG
AGCTTCAATTACCTGTGGATTGATTGTCACGGTGATGATTACGCCGTGCGACATATCTCCGGCGCTCATATGA
ATCCAGCGGTTACTATTGCTTTTGTGCTGTTTCGGCGATTTCATGGAACAGGTTCCACTTTACGCAGCAGCT
CAACTAAGTGGAGCTACATCGGCAGCCTTTACACTACGCATATTATTGGATCCAATTCAAGATTTAGGTACAAC
TTCACCACATGGACCGGCTTTGAAGGCACTTGTTATGGAGATCGTTGTCTCATTTTGTATGATGTTTGTCACTTC
GGCGGTTGCCACTGACACGAAAGCTATAGGAGAGCTCGGAGGCATAGCTGTGGGGTGGGCTGTATGTATCTC
CTCCATCTTTGCTGGGCCAATATCGGGTGGATCAATGAACCCAGCAAGATCAATAGGACCAGCCATTGCAAGT
TCACGTTACGAAGGAATTTGGGTGTACATGATCGGTCCAATTACAGGAACCTTGCTTGCGGCATTTCATATAA
TTTCATACGAGCCACTGAAAAACACACCCATTCACTCTCGTCACATTGACATCCAATCAATCGGATCGTGCTGG
AACTTCAAGTCATACCAAAATCAATGAGTTCAATTGTTGTATAAATTAATGTGTACTCTATAATAAAAGTTGT
AGTTTAAGTTGTATTTAATTTAGAAAAATTAAGGTAAGGTTAGTTTAAATTGTCTTGAATTTATTTGTTTTT

TAGTTTTGAGAGAAGAATGAATCTGAAATAGGGAATCATTTTTATTATTGTTGTTATTTTACAAGTGTGAGTTT
TGATCTGATTTTTTTTTTTTTTTTTTACAATAATCAACCATAAAATTGGTTCTTCTTTCCGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_915 AB067683|Pyrus communis PcPME3 mRNA for pectin methylesterase 3, complete
cds

ATCACAAAAATCTATGGTCTATCTGGATTCTATATGTATGGACTTGAGCTCTCTTCTATTTTCGCACACAAAAGTA
GTTCAAAGCCAATGGCTTGCAAGTTCTTGTTTCCTCCTTTATTTCTTATACTCTTAACCCTTTTACCTCTTCATTT
GCTTCAGATGATTCTCTACTAATATTTTCCCTACCAAAGCCATTGCAAAGCTGACCTCAAATCCTTCTTACTGCA
TCACTGTGCTTAAACAATCCAGAGATGGTAATATCTACGACTCTGGCCGGTTCTCAATTCGTCGTTCTTTATCTA
AAGCCTCTAGATTCCTTGACTTGATTGAGAAGCATCTTCAGAACTCTCAACTCTACCAAATCCATCATCGGA
GCTCTCAAAGATTGTCACTACCTGCTCAACTGAATATGAATTTCTGTCTAATTCGTTTCGGGCTGTTAATGGC
ACTGATAGAAAGCTAACTTACTCAAAGCTGATTATATCCAGAGTCTTCTTAGTGCCATCTTAACCAACATAGA
TACTTGTCTTGATGGTCTAAACACTGTAGCCTCAGGTTCTAGTTTGGAGAAAGATCTATTAGCCCCACTTATTG
ATTGTACTAAATCGTACAGTCTTTCTCTTGATCTTTTACAAAGGGTTGGGTGCCTAGGTGGAATAGAAACAGA
ACACTAGAGCAGCCTGGGAAAAAACACCTGCAGTTTAGGAAAGGACCGTTGCCATTGAGAATGTGCGAGACAC
GACCGTGCTGTTTACAACCTCGGTGGCAAATCGGAGAAAGCTTTCGTCTTCTTCTGATGATGGAGTTTTGGTTAA
TGGTATTGCAGTTGTGAGTCAAGATGGTGAAGGAGACTTCCTTAACATCACAGATGCTATTAATGCAGCTCCA
AATAAATCTCTTGCTGCCAATGGCTACTTCTTGATTTACATTACGGCTGGTGTTTATCAAGAGTATGTGTCTGTT
CCTTCAAAGAAGAAGTACTTGCTGATGATTGGAGATGGTATAAATCAAACCTATTATCACAGGCAACCGGAGCG
TCGCTGACGGATGGACGACTTTCAACAGTGCAACTTTTGCTGTAGCAGCAGAAGGATTCATGGCCGTAAACAT
AACCTTCCAAACACAGCTGGAGCAATCAAAGGCCAAGCAGTTGCATTAAGAAGTGGAGCTGATATGTGCGT
TTTTACTCCT

>trans_s_916 BT026130|Arabidopsis thaliana

AGTCGAAGGAATTCAAGGAGTTGAATGTAGGGTTTATGATGGATGAAGGACAAGCTTCACCGGGAGATGAG
TTTAGGGTTTTTTACGCCGATAGATCGCCATGGTCGTTGATAATCAAGGCTAAAGGAACCCCTGGCCATGGAT
CTAGAATGTACGATAACAGCGCAATGGAGAATTTGATGAAGAGCGTGGAGATTATCAGTAGATTCAGAGAGA
GCCAATTTGAAATAGTCAAAGCCGGTGAAGCTGCTAATTCAGAAGTCATCTCTGTGAATCCTGTTTTGTCAAT
GCCGGAATTCCTTCCCCACAGGATTTGTGATGAACATGCAACCGTCGGAAGCGGAGGCTGGGTTTGATCTCA
GATTACCGCCGACCGCCGACCCAGATGCTATGAGAAGAAGAATAGCGGAGGAATGGGCTCCGGCATGGCGG
AACATGACTTATCAGATAATTGAGAAAGGACCCCTTAAGAGATTACTTAGGAAGTCCATTAATGACGATGACAA
ATGATTCAAATCCATGGTGGGCTGTTTTAAGGCAGCCATTTCCGACGCCGGAGGGAAGCTTTCTAAGCCCGA
AATCTTGGCTACGACTACGGATGCTCGATTATGAGACAGATGAGGATTCCTGTTCTTGTTTCTCTCCAATGA
TTAACACTCCAATCTTACTGCATGATCACAATGAGTTCTTGAGTGATTCTGTGTTTATAAGGGGAATCAAGGTT
TATGAATCCTTAATCAGTTCTTTGAGTTCCTTCCAAGAGGATGTTTCTTCCCAATAATAAGCATTGCTCATCCTT
CAGAATTCTGATGGAAGTCAACACCGTAAAGTATCCATTGAGAATGTCAATTTGAGAGGCATATAGCTTTATAT
GCAAAAGTAAGCTTTCTTCTGACCAAACCCGATCCATTTTACTATTATCTATTTGGTCTTTAACTTTAAAG
AGTTGTTTAGAATGCTTTGAAAAGACTCAAATAAACGATAAATCTCAATGAAATGATACGCAAACTTTGTAG
CTTTATGTTTATTGAGTTTGAATTTATATTGTTGAATAAGACTGTTATGGTTGAGGAACTTAAATACTCTTTCAC
CCATCATTGTTATGGAGAATCAAACCTGAAGTTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_917 NM_001067507|Oryza sativa Japonica Group Os08g0141300 (Os08g0141300)
mRNA, complete cds

CTCAACTCTTTTTCTTCACTTTAATTTTATTCTCTTCACTTCCGCTACTTCATATCTCTTTCTCTCTCCACCTTCTTG
TCTTCCGCCTCCATCGAACTAAAAAGCGACCCCTCCTCCTCCTCCTCTTAACGGCCACCATCAACTGCCCTG
GCTCCTCCTCCTCCTCAATCCGAACCTCAACGACGAGTTTCTTCCACTGTCCGATGCTCTGATTCAGTCTCGGA
GGTTTCAATGATGGCTGTTGAAGACCAAAAGTCAACGTCCGACGGAAAGGTCTGGGGTTTTTTGAAGCAAAC
GTTTAGGCATTCCACTACCGGTGCTACTACTTCGTCTCGTACCTCTCATCAAACATCCGCCTGTGGACGGGA
CGAATCCTCATACCTCCGCCTCTGTCTCCTCTGTTGCTAGGTCGCTGCTTCCGACGCGGCGTCGGCTCAAGCTT
GATCCATCGAATAAGCTTTTCATTCTTATGAACCTGGCAAGCAGGTCAGGAGTGCCATTGGAATAAAAAACA
CGAGCAAATCTTATGTTGCATTCAAGTTTCAAACAACCTGCACCAAAAAGCTGCTTCATGCGTCCTCCTGGTGCA
ATTCTTGCCCCAGGAGAGAGCATCATAGCCACTGTTTTCAAGTTTGTTGAGGTTCCCGAAAGCAACGAGAAAC
CTGTGGATCAAAAGAACAACAGGGTTAAGTTTAAAATTATGAGCTTGAAGGTGAAAGGACAAATGGATTATG
TGCCTGAACTGTTTGATGAGCAGAAGGACCAAGTGTCTATAGAACAGATATTGCGGGTTGTTTTCTGGATCC
AGAACGTCCCAATGCAGCTTTAGAAAAATTGAAGCGCCAATTAGCGGAAGCCGATGCTGCACCTGAGGCACG
CAAGAAACCACCAGAGGAGTCTGGCCCAAAAATAATTGGCGAAGGGCTGGTTATAGACGAATGGAAAGAAC
GGAGGGAAAGATATCTGGCAAAACAGCAAGTTGAAGGGGTAGATTCTGTATAGGTTTGGTTTCAGAGATTTT
TTTTTTTTTTTTTTCTTCCGCAATGGTTCTGTAATTTGAAAGGGATTTCAAATCAACTCTCGAGTATCGATT
TACCCTTAAAAAGTCATGTAATCTTTTTCTTTTTCTGTATATTATCCAAAGTATTGTTTAGGTGAAGATGAACTTG
TTTTATTTTCATTGAA

>trans_s_918 NM_111171|Arabidopsis thaliana aminoacyl-tRNA hydrolase (AT3G03010) mRNA,
complete cds

AGGGGTGTCATTTTGTTCACTCTCCACCCCCATTTCTCTTTTTCTTCATATCCCATCTGTGTGCGAGCCGCAG
ATCGCCACCCTCCCCATAAACCCAACGCTTCTCTCCCTCACTCACTGCGGCAGCCACACCCACGCCAATTTCTCT
CTTTCTTTGATTTCTTTATTCTCTCTTCATCTTACCGTTGCCATTGCCGATTCTCAGCACGCCCTGCACTCAGTT
TCTTTCTCCTTCTCTTCTCTCACTCTCTACTGCGATCTCACGCCGAATGCTTCTATCTCGAGGAGTTTTATTGCT
AGAATTAGAATTTGGTATCTGGTCCAGGATTATTCTTGCTGGACTTCAGTAGTGAGAAAGTGCATTTTATAGA
CTAAATTGGATGGATCTGGCATGGTTGAGTGCCATTGTAGTTGGGGCCGGCTGCCTTGTTTTGGGATACTAT
ATTGGTTCAAAATATCCTCCTCGGGTCTTTGTCAAAGCTAAATTAGCCAAAAGCAATGAATCAAGCAGAAATG
GGAAGAAGAAGGATAAGACTAAAGAGCCACTGGAGGTCGAAAATTTGGCTGACATTCTCGATGACTTCAAGA
TGGTCTTAGTTGTGAGAAATGATTTGAAAATGGGAAAAGGAAAAATCGCAGCCCAATGCAGTCATGCAACTTT
GGGTCTCTATAAGAAGCTTCATTATCGTGCACCAAAAGCCTTGAACAGGTGGGAGATGTGTGCGCAGCCCAA
GGTGGTTCTGAAGATAGAAAGTGAGGAAGACATGCTAGTTTTGCAAGAGAGGGCAAAATCATTGAAGCTACC
AACTCATATTACTATTGATGCCGGAAGAAGTCAAGATTGCACCAATTCGAGAACGGTGATGGCAATTCTTGGT
CCTGTTGAAGTGTTGATGATGTAAGTGGTGGGTTGAACTTTTGAGTTTCTGATTATCGCCTGTTATCTCC
CAAATCTCTGAAGACTTCAGTTCTCAGAAGACTCTACTCTGCAAAATCCATCCATGCTTGGACCAATTGCACG
GTATGAAACCGATCTTAATGCGGAGCTGAGCTATTGACACTCAATACTATTTCCAATTTCTGATAAGGATAATG
TTAACAGCGATAATCTAAGTTAACCTATTTATTATGAAATTTAGTATGATTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_919 FJ874630|Jatropha curcas allene oxide cyclase (aoc) mRNA, complete cds

AAACACTCTCTCTTCCATTTTTCTATTATCCGAACACCAAAAAGCAGAGCTCTCGAAAATCTTCTCCCATGGCA
ACTCTAAGAGTACTTTCCAGCTCTATTAGATTAGCCGGCGTAAATCCGAGTAATTCCTCTCTTAATCGGCCTGT
TCCGTCAAGATTTCCGGTCCATTGTTCACTCAAAGCTCCAAACTCTTCTCCCCTTCCAAGAATCTGAGTTTCTCC
GCTACTGGAAGATCGTTCTCTCTCTACTCAAGCCAGTGCCTCTGATTCTCCAATCCAAGTGGTAGAGTTCA
GGAATTATATGTTTATGAAATCAATGAAAGAGATCGTCAAAGTCTGCGTATCTTAGGTTAAGCCAGAAGAAT

ACGAATGCGCTTGGTGATCTGGTTCCTTTCACTAACAACTATATACCGGAGATCTACAAAAACGGGTAGGAA
TAACGTCGGGGCTATGCATATTGGTGCAAAACAAACCGGAGAAGAAAGGTGACCATTACGAGGCAATTTACA
GCTTTTACTTCGGGGATTACGGTCACATAGCAGTTCAAGGTCCTTACCTCACCTACGAGGACACGTACCTTGCC
GTGACTGGTGGGTCAGGTATCTTCGAAGGCGTTAGGGGTCAGGTTAAGTTACAACAAATCATATTCCTTTCA
AACTCTTCTATACCTTTTACTTGAAGGACATTGGGGACTTGCCTCCGGAACCTGTAGTCAAGCCCACTGAGCCC
ACCCCGGCTGCTGAGCCACACCTAATGCTAAGGCTTGTATCCTCATGCCACCATCTCTGGTTAACTGACTA
AGGGTTTGGTACTTAATCCTACTTTCGGTTAGCCCTCTCGATTCTTTCTCAATCCATTCTATAAACCATATGTT
CTTTGTAGGGCGATGATAGATGTCTTAAGTAGTTAGATTTAATTTGGTTTGCAACTATACTATGTTCTTTATGT
TTTAGTTATGGTTTCGATTGTTGGCCTAGTTAGCTATGATATTTTCTCTCATATATGAATTGTAATTTTGTAGA
CTATCAAGAGTGTTTGATATAGAGGTTGTAATTTAGTGTATAATAAAATTGTTTCACCAAGGTGAATTTAATT
TAGTAATAATTGATAGGATCTTTACCATAAAGGAACCTTCTTTACCGTACTAAAAATAAGATCGCTTGGTTA
ACCTTTTG

>trans_s_920 NM_001072224|Oryza sativa Japonica Group Os11g0136800 (Os11g0136800)
mRNA, complete cds

GGTCGAAGAGTTCTTTATCACCTGATAAGCTCTTGTACTCGTTGGAATATGCTGGAAAGGATTTGAAGGTGGA
GAGGATGGCAGTGCCGCTGAGAGATATGGAAAATGAGGATTTGTTGGATTATTTGAATGTGTGCTATGATTTT
ATTGAGCGGGGTAGAAAAGAGGGATCTGTTCTGGTGCATTGCTTTGCTGGAGTATCTAGAAGTGCTGCCATC
ATCACAGCATATCTTATGAGAAACGAACAGCTATCTCTAGAAGGTGTGAATAAGCATCATTTGCTTGACCTACT
ATGAACCAAGTGTATGAGTAGTTGCTTATGGTCCCAATCAATTGCTAGTTTTTCTTCATGACTATCCGTTGATGC
AGATGCACTTGATTCTTTACGAAAAAGCAATGAATTTGTAGCCCAATGATGGATTATGGAGCAGGTGCTC
TTGGAAATATTGTTAATTCATAAGTCACTGAAAGGTCTTGTGCAGAATCAATGCCTTAGTTAAGCCATTCTAGT
TTGCTAATTACTCGTCTATATCTTTCCAGTTAAAACTGTTTCGAGGAAATGGGTTTCAAGGTTGATTATGCCAGT
CCTATATACAAGCGTTTTCGCTGAAAGTATTGGGTGAGTCCTATAACCGTGGGGAAAAAATCAACATTTCTA
AACTTGGAGCAGATCCAGGCTTGTCCCGTGAAGTTGCTTCAGAGGTACAGTCATCCCAACAAGTAGAATTTTC
CCATTTACGTGCATACCGCTGCAAGAAATGTCGAAGACTGGTGCCTTGCTGGAAATGTAGTGGATCACATT
CCTGGGGAAGGTGAGACGTCCTTTGACTGGTATAAAAGAAAAAGTGGAACCCCTTTTAAACAAGTCAGAGGAA
TCTGAGTGTTTCATCCATTTTTGTTGAGCCCTTCGGTGGATGACAGGAGTTGAAGAAGGTGCATTGGAAGGGA
AACTATCTTGTGCTCATTGTGAAGCTCGTCTTGGATACTTTAATTGGTCAGGCATCCAATGTAGTTGCGGAAGC
TGGATCACCCAGCATTTTCAGCTTCATAAAAGCCGAGTTGACATCTCAACTGTCTAATACTTTTGCGGGACAG
AGAAACAGGGATGACTATAATCTCTCTCTCATAAATGCAGATAGTAGATAGATACTATATGCTTCCGCC
ATTAGGGAAAAGGACTACATA

>trans_s_921 NM_115626|Arabidopsis thaliana NRPA1; DNA binding / DNA-directed RNA
polymerase/ zinc ion binding (NRPA1) mRNA, complete cds

ACTGATGAGATGGATTATGAAGATGATTGAGAAGATGATCTTAATGCTAAAGAACCATCAACAGGATTTGAAA
GTGAAGTTGATCAAGGTGATGAAGCTGAAATAACCAATAATGAGATTGAAATTGTGAAGACAGTGCATCTG
AGAATGAGCCTGAGATAGTAGATATCTCAAACCTCCGAGTCGAAAGAGAAAAACAACCGAAACATCGGAAAAGA
AGAAGAAAGTTAAATCAGAGTTCAACAGAAAGGACACTGATAGATCAATTTTTGCAGAAGCTAAGGAAAATC
ATTTTGAGGTTTCATTTTAAGTTTACGAATGAACCTCATATTTTACTGAGCCAGATCGCTCAAAGAGCTGCCAA
AAGGTGTCAATTCAAAGATCGGGCAAAATCATCCAATGTCAACAAATTACATGCAAGGAAGGTCAGGTAATAT
ACCATGGGAACAATCTCAAGGAAAGAAAGAATCTCAAACCCGAAGAAAAGGAAAAAATTCCTGCACTACAAA
CCAGTGGAGTTGACTTCAAGACGCTCTGGGAGATGCAAGATGAGCTTGATGTTAGATATATGTATTCCAATGA
CATCCATGCCATGCTTCAAACATATGGAGTGGAAGCTGCTAGGGCAACCATAATAAGAGAAATTCAAAACATT

TTCACCTCATATGGAATATCTGTCAATATTCGACATTTATCTCTTGTTGCTGATTATATGACTCATTCTGGTGGG
TACCGACCGATGAGTCGCCTAGGAGGCATATCTGATTCAATATCTCCTTTCAGTAGAATGACTTTTGAGACAGC
TGGGAAGTTCATTGTTCAAGCTGCATTACATGGAGAGGTAGACAACCTTGAAACTCCATCTTCTAGGATCTGT
CTTGGTTTGCCAGTAAAGATGGGTACAGGTAGCTTTGATTTGATGCAGCAAATTGCAGTCTGATACTTTTTGTC
TCATTTCAATTTGGTCTTGCAATTAGGGGGGAGAGAGAGAGTTTGGATGTAAATTTGGATGAAACAAAATTTTG
TATCAATAGCTTACTGTTGTATTAATATATAGAGCTTCTTATGTATAAATGAGTGTGCAATGATCTGTTAAGA
AGTCTAAGAAAGTGGCTTAGAAATTTTGTCCCTTGAGAAATATTTGAACGAACTATTAATTGAATTCTTTCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_922 NM_001125690|Arabidopsis thaliana ATEXO70A1 (exocyst subunit EXO70 family
protein A1); protein binding (ATEXO70A1) mRNA, complete cds

ATGCCACAAAACTGCGGTGTTGGATGGAAGTTCATCCTTTAACAAGCTATGTGATCAATTACGTCAAATTT
CTTTTTGACTATCAAGCAACCTTGAAGCAACTTTTCCAAGAATTTGAAGATAGCGGTCAAACAAATTCGGAATT
GGCCAGTGTCAATGCAAATAATGCAGGCTCTCAGTCTAATTTGGATGGAAAATCTAAGCATTACAGGGAT
CCTGCTTTGACTCACTTATTCCTCATGAACAACATACACTATATAGTTAGATCTGTTGCGCAGATCTGAAGCCAAG
GATTTGCTGGGGGACGATTGGGTTCAAGAGACATAGGAGGGTCGTACAACAACATGCAATCAGTATAAAAG
GAATGCTTGGTCAAAGATTCTGCAATGCCTCTCTGTTCAAGGGTTAACTTCATCTGGCGGTGGCAGTGTACCA
GGCATAGATGGAGGAAATAGTAGCGGAGTTTCTAAGGCCCTTATTAAGACAGGTTCAAGACTTTCAATATGC
AGTTTGAGGAACTGCATCAAAGACAATCTCAATGGGCAGTTCCTGATACTGAGTTGCGGGAGTCTTAAGACT
TTCGGTTGCTGAAGTCTTACTTCTGCATACAGATCCTTCTGAAACGTTTCGGGCCACTGATTGATGGTGGAA
AGAATCCCCAAAAGTACGTCAGATACCAGCCAGAGGATCTCGAAAGGATGCTGGGAGAATTTTTTGAAGGGA
AGAATGTGAATGAACCTAAACGGTAAGATATGCAATTCTGCAGTCTCATTGGTGTCTAACGCCAAGATCGAT
CGGCTTGGTGACTTACAGTCATTGCTCCAAGTTGCTGCCTGTTTCTGGAGGCTCAAAATCTGAGGTTCTTCTT
TTCATGAAGTTGGTGATGAGTTTTAGCATCCTTGCATAAATTACACTGTTGTCAGCACCTTGGCCTTTTTGATT
CCCCCTCATGTGTTGGATGGTTTGTCTCTAATATTATTTTCTACAATGTATATATAGGAACTATGTGAAGTTA
AATAGTATTCTTTCTTTTCTTCTTCCCTGTATCCCTTGTGAAAATGTCATTATGATTAATATCAAGCTCTCA
AGGATGTTTTGTTTTTCTTCAATTATTTTTTAATACCATTATTATTATTATTCTTTACAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_923 EU373015|Gossypium hirsutum gland development related protein 23-like mRNA,
complete sequence

CTTTTTCACAAAACAAACACCTCTTACCCTCAGTTTTCTCATAATCTGACAAATCCAAGCAACCCATTACCTTC
TCTCTCTTTCCCTTATACAAACTACCCCTTTTGTTCCTTCTCTCATGATCATCTTCTTTCTCTAATGGGCCTTAATT
TCTCTGTTTTTTCCGCCTCCATAATGGGTCTCAGCCACCGTCGTTGTCGCCGTTCCCCGGTCTCGGGGACCTAC
CGGAGAGCTGTGCGGCGGATGTTTTGAAGTATTGACTCCGGTGGAGATTGTATTCTTGAAAGATGAATA
GGGCTTTTCGCGGCGCGTCTGGGCTGATTTGTTTTGGGACTCTAAATTGCCCCCTAATTATAGGGTCTTGT
CAACGACTGATTGGGGATGTTGGTTTGGTTATGAGTAAAAGAGAGATTATACGAGACTTTGTCAGCTGAATC
AATTAGATGGTGGAATAAGAATGTTTGGCTGGATAAATATTCAGGTGGTATTTGCTTATCGATTTCTTCTATG
GATTTGAGGATTACTGGGATTGATTATCGGAGGTATTGGAATCGTATTTCCACCGAAGAATCGAGGTTCCAAA
CTATTGCATATCTTCAGCAAATATGGTGGTTTGAAGTTGGTGGAGAGGTGAGTTTCCGTTTCCACCAGGAAC
TTACAGCCTATATTTAGGCTGCAATTGGGTGCGACATCAAAGAGGTTTGGCCGTCGAATCTATAACCTTGAG
CACGTTTATGGCTGGAATATAAAGCCCGTGCAATTCCAGCTTTGGACTTCACATGGTCAGCATGCCAAAATC
AATGCTATTTAGACGAAGCTGGGAAATGGACGCTACATCACGCAGGTAATTTCAACGTCGATGCTCGAAACG
AATCGACAAGAATCAAATTCTCTATGACTCAGATTGACTGCACGCACATGAAAGGTGGCCTCTGTTTAGATTCT

GGTGCTGATTTTCCCAGTCGAGTATAAACAGAGATCCCAGCGTCGTTGACTCGTTTGGTCTGAATTTTGCATA
GGTAGAGATTATTGTAGAAATATATAGCTGAATGAGGTTATGAAAGCTTCTCAAATGACTGGCTTTATTTTTTT
CTAAGCCTATAGTTGTTTTTGTGGAAATGAGGCAATGCTTAATTACATAAATGATTGATTACTTAATTTTGTTT
CGTTAATGTGTNAA

>trans_s_924 NM_001036454|Arabidopsis thaliana nucleolar protein gar2-related (AT2G42320)
mRNA, complete cds

TTCTCAGTCCCGGAAGGCTCATGCTGCTAGAAGTGTGTTTCTGGATTTGTTTTGATTGCAAAAGCTTGTGGAA
ATGACGTGCCCAGATTGACTTTCTGGTTATCAAATTCATAGTCCTGAGAACAATCATAAGTCAGAATGCTGTG
AGCTTGAAAATGCAAGTTATTTCTGGATCTCATTCAAGCAAAAATGGTGCCAACAAAGAAAGTAGTAAAGCAG
CGTCTGCACTGAAATGGAAAGTGTCTCTCAAACAAAAGAGAGAATGGAAGTACCAAACATGGAAGTTCTG
GTGACTGGGAAAACGTACAGACTTTTACATCTGCATTAGAGAAGGTTGAGGCTTGGATCTTCTCCGAATCAT
TGAGTCCATCTGGTGGCAGACATTGACTCCACATATGCAGTCGGCAACAGCAAAAACAATCAATCAAGTTTCA
AATTCAACCTCAGGGAAGAGCTATAAGAGAAATTCTAGTTCAGTTGATCATGATCAAGGGAACCTTTTCGTTGG
ACCTTTGGAAGAAAGCTTTCAAGGACGCCTGTGAAAGAATTTGTCCTGTCAGAGCTGGAGGGCACGAGTGTG
GTTGCTTGCTCTTCTGTCTAAATTGATAATGGAGCAATGTGTCACTAGATTGGATACAGCAATGTTCAATGCC
ATTCTTCGTGATTCTGCTGATGAGATGCCAACTGATCCTGTGTCTGACCCATTAGTGAGTCTAAAGTTCTCCC
AATTCTGGTCGGGAAATCGAGTTTTGGAGCTGGCGCACTACTTAAGAATGCAATTGGAAAATGGTCGAGGTG
GTTGACTGATCTTTTCGGCTTGATGACGAAGATCAATGCGAGGATGAAAATGACAACACAGAAGGGGAAAGA
TGCTTCTACCCTCAAGTCCTCCATCTACTAAATGCATTGAGCGATCTCATGATGCTTCTAAGGACATGCTCCT
CAGCCAATCGATAAGAAAAGAGGTATGCCCTTCGTTTAGTGCAACAGTAATCAAGAGAATTCTTGACCATTTT
GTTCTGACGAGTTTTGCGAAGACCCAATCCCTGATGCTGTTCTTGAAGCTCTGGATATCGAGGAGGACCCAT
CTGAACCTCGATGACAAATTTGTGATGAGTCTCCACACACCGCAGCCGCCGTAACCTATCACCCACCATCAGCA
GCTTCTGTAGCAGCATTTCATTGGC

>trans_s_925 XM_002889819|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata partner of Y14-mago (PYM), mRNA

ACTACCCCAGCGCCGAGTAACGTCCACACCGGATAACAACCTGTCGCCGATTGATGAATGGGTAGATCCTT
GGGAAGAAGCTTTGGCTGGCTATTGAGGAATGTATTTAGCAATTAATTGCCTTTTAGGCGATGGGGAGTAG
TGATGGAGGAGGAGAAGATCTGCGGAAGCAAATGACAGAGCTGAGCAAAACCTAAAAGAAGGAGAAAGG
ATTCTAGCACCAACAAGAAGACCCGATGGTACTCTCGAAAACCCATTAAGATTAGGGCCGGCTATGTTCCAC
AAGAAGAAGTCGCCATTTACCAGTCCAAGGGGCTCTGTGGAAAAAGGAGATGGCATCCCACGATGGACCTC
CTGGCTATGATCCTCCGGCAACAGATGTAAAAACCAAGACCAAGTCAGCTAAGCGAAATGAGAGAAAGAAAG
AGAAGCGACTGCAGCAGGCAGCTCATGAAAAGGACAAAAGTCTTGAACAAGTGTTGTTGAAGAGATCACT
GAAGCAAAGGAAGCATACGTAGATAATAGGTTGGAATCCATCCAGTCATTAAGTTCCCAGATGAATGAACCT
GCTGTTTCTACCAATCTGAAAGTTGAAAGCCCTTCTTCTGAGCCGATTGATGATCCACAGTTGCCTTCCAGTGA
CCTTGACAAGAGAATTAGAGCAACTAAAAAGAAGATTGCAATGGCAGAAGCTCAGTTGCAAAAAACACCACT
TCAAGATATGAAGCCGGAGCAGGCGAACAAGTTATCGAACTAGAACTTGCGCTCCGAACTAATGCTTCT
AGAAGAACAAAGGCTAAACTAAATTCTTCATCATGAATGAGAATGGGCTGCAGGCAGCATCATTGTTCACTT
TATTTAATCCTTTATGTTGAGAGAAAAAAGAAACCGAAATTGCTGCAACCAAAAGGATTTGATTTGCACTT
TCGAAAGTCTTAATCACCTGTAAACTCTACTCGTGTGTGTGAATTGCATTTTATTCAAACGCTTTGGCAGCAA
CCGTTTGAAGTGTAGATAGTTCTGATACGTTGATTTCTTTCCCTCTGACATGATTTATTTATGTGATCTCCAAT
CATAACGATGAACCAAATACTTTGGCTTATCGGATTTAGAAATATATTAATGAGTTTTATTTATTATTTAAAGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_926 EU624138|Medicago sativa zinc finger protein mRNA, complete cds

CAACTAATATGATGGTCTCATTGCGTGGTTCTCCTATTTATCCAACCGTACAATCACCAACTCCTGGTCAGCAAT
CATATCCAGGAGGAAGTACAAATTGGTCTAGGGCTTCATTTATTCCCAGTCCACGATGGCAAGGTCCTTCCAG
TTATGCATCTTTAATATTACCTCAGGGAGTTCTTTCTGTTCCAGGTTGGAATGCATTCAATGATCAGCTAGGATC
GGTTTCGTCTTCAGAAAGTCCACAACAAACGAGGGAGAATGTATTCCTGAGAGGCCTGGCCAGCCTGAATGT
CAGTTTTACATGAAGACTGGAGATTGCAAGTTCGGTGCTGTTTGTGCGATTTTCATCACCCAGAGAAAGAGTAC
TTCCTGCTCCAGATTGTGTCTTGAGTCCAATAGGCCTGCCATTACGTCCGGGAGAACCTTTGTGCATCTTTTATT
CTCGTTATGGGATCTGTAAGTTTGGTCCAAGCTGCAAGTTTGATCACCTATGGGAATCTTCACATACAATCTC
TCAGCAGCATCATCAGCCAACGCCCGGTTGAGCATTTGTTTGGGACGTCTTCGGGAACAACGCACTAAACC
TATCATCTGAGGGGCTAGTCGAAGCAGGATCTGCAAAGCCAAGGCGGCTATCAATCTCGGAGACTCGAGAAA
TGCCATCTGACGATGAAAATGATGCCGAGGGCTGAAAGGATGCAGCTCCTCCAATTTACCCCTTTTACAATCTT
TTGGAAGATAAAAAAAGAGATGAAGAGCTATTTGTAAATGATTATATGTCTTTGCCTTGCTGGAAGGAAAAA
GATGTACAGGAGGGTTCATGTAAAGTTGATCCTGTTTTTCTGAAAACGCATTTTCAGATGGCAGCAGATTAATT
CCCCTGAATTTTACTTTTTATTTTTATTTTTTTAATGTTTTCTGCATTGTATAAAAAGATCTGCAGATGATGTCT
CAGTTTTTCTTCTTTCACCTTTGGTAAACAACAATTCATGAAGTACTCATTTGTCCCCAAATCTTCTGATATTT
GGGATTTTAATATTCTTGTAAGAGACGCTTGCAATTTCCCCCAAATTTTGATGGCCTTTTGGCTCTTCAATCAA
TGAATAATCATGTTTCATGATGCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_927 NM_001061024|Oryza sativa Japonica Group Os05g0120100 (Os05g0120100)
mRNA, complete cds

ATTTTTGCGAAAGACGTAAAATTTAGGGTTTTCGCATCCTTATTGTTTTCCAGATAAAATGCCTCGCTATGACGAT
CGTTACGGCGGTACTCGGCTCTACGTTGGGCGCCTGTCTTCACGTACGAGGTCCCGTGATCTGGATGACCTGT
TCAGTCGTTATGGAAGAGTACGCGATGTGGATATGAAGCGAGACTATGCATTTGTTGAGTTTAGTGATCCCCG
TGATGCTGACGATGCAAGATATAGTTTGAATGGGCGGGATGTCCATGGAAGTCGAATCATTGTGGAAATAGC
TAAAGGGGTACCTCGTGGTCTGGTGGATCCCGTGAGTATCTTGGTCGAGGTCTCCAGGAACTGGCCGTTGT
TTCAATTGTGGGATCGATGGCCACTGGGCGAGAGATTGCAAGGCTGGAGATTGGAAAAATAAATGTTATCGA
TGCGGCGAACGGGGTTCATAGAGAAGAATTGCCAGAACAGTCCCAAGAAGTTGAAGCGTGGAAGTTACTC
ACGTTACCAAGCCCTCGCCGTGGTAGAAGCCGCAAGTCGTAGTTATAGCAGAGGTGCAAGCTACAGTCGATCT
AGATCTCCTGTAAAAAGAGATAGAAGCCTTGAGCGATCAGATAAAAGATCAAGGAGCCCAAGAGGCAGATCA
AGCCCAAGAGGCACAGTTTGTACCTCCTCCAAAAGCTATGAAACGTAGCCCAACTCCTGATGAAAGAAGTC
CAGAAGAAGATGCAAGACGCAAGTCTGTCCCCAGGAAATCGTGACAGCCGAGTCCTAGAGGTAGAAGCAGA
AGCCCAAGAGGAAGGAGCAGGAGTCCAATGGATGAAGGTGAGGACTTCAACGGTGGTGGAAATAGAAATTA
TCGAAGGGAAGAAAACGGATACAGTCGCAGCCCCAGCCGTTGCCTAGAGAAGAAAGGAGTCCTGTAAACG
ACGAAGATAACAACGTTCTCCAAGGGGTGGCAGTGAATCTGCATAATAGAGAGTTCCTTATTTTGCTTCTGC
TTAAACACATGCGTTTGCCTTGAATTTTATAAGAGAGACTTAAATAGTGTATTGTGATTGAATCCCTCCTCAA
ATGTTTCATCAGCACCGTATTTTTCTATTTATAATTCCAGCTAAATTATGATAAATTATATAATAATCTGTTTC
TTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_928 NM_129462|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein
(AT2G39050) mRNA, complete cds

GGACCTGAAGAACCCCAAGGATCGGGAAAAAAAAAATGGCCTTCCCTTTTACCACCACCACCACCACCACC
GCCATGACGACGATGAAGACGCCGAACCTCCTTATCCTCCACCGGGACACAGGCCGCCATACTCCGATCCACC
GCCCCACTGGTTCCCCACATCCACCACCACACTCACTACGGCGAGGCTCCTCCGCCGCTCCACCGTCTTACG
TTGGCTACGAGTCCAATTTCCCTCCGGAGCCGCCGTTCCCGACTACGGATACTCCTCCGGACCCCTCCTCCG

GTCGTGCACCACCACTCTCACAATCCACACTCTCCCACTGTTATTACCAACACTCTCATCACTCCGATTCTCCCT
TCTCCAACAGACCAACGGTCAAGGTCTACGCCAAAGCAAACCCTAATTTCTCTTGGCATCCGCGACGGCAA
GGTCGTCTCTGTTCTTCCGATCCAGACGATCCCGCTCAACACTGGTTCAAAGATGAGAAATACAGTACAAGG
ATTAAGGATGAGGAAGGATGTCCCTGCTTTGCTCTGGTGAATAAGGCCACCGGTCAGGCGATGAAACATTCC
GTTGGAGCTTCTCATCCGGTTCAGTTGACACGCTACGATCCAAATGTTGTGGACGAGTCTGTACTGTGGACAC
AGAGCAAGGAATTTGGGGAAGGATACAGAGCCATAAGAATGGTGAATAACGTTCACTTGAATGTTGATGCCT
TTCATGGAGACAAATATTCTGGTGGAATTCATGACGGCACGCACATTGTTTTGTGGAATGGAAGGAAGGAG
AAAACCAACTGTGGAAGATCGTACCCTACTGAGGATGTGATGAAATGAAGGGGATGCTATGGTATGCAATGG
AGTGTTGTAATAATGTCATGTTGAGAATAAAGGTATTCTCGTGGATTTGAGAAAAACCATATTTGTAGTTCATG
AAAAATTGAAAGTGTGTGGAGGCATCAATCAATATGTTTTGTGCTTTAGATTTAGCTTTAGCAATTAGCATCAT
TTGATTTGGATGGCTTTTACTTTCCACTCACAATATCCGCAGCTATTTTTATGGATCCCTTCATTCAACAAAAC
TTCTGTAAAAATATGTATCTTCTTCTGTTCCATTTGATGGTAATGATAGTAATTATATTATGTCCGCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_929 BT025765|Arabidopsis thaliana At2g04340 mRNA, complete cds

AAGGGAAAAAATTAGAATAATATTCAGTTAGAGATGACAGGATTTGGGCATGGACTGCGTGTAATTGGGAGA
CAGGTGCATCTCCTTAAGCAACGTGAAGGTCCATCAGAGGTTCTAAGGGGAAAGATCGCAGAGCTGGAGAAA
TTTAGGAAGAGGAAGAAAAAGTATGAAGAAGGACCAGTTCATTGTGGACGTTCTGAATCAAATTCCTTCCTCG
ACACTCCTTCTATGCCCATGATTCTCACTGCTGTTGGAATTGCTCTCTTTGCTAAACTCCTTATGATGTATGATG
AGTCAAGATCTGAAGAGTTGATAGAGCGCAAATAAAGAATGCTCCCCAGGTCAAGGAACTGTGAGGATGC
TTAGTCGTGAGGAGTGGGAGGAAATTCGAGAAGTTTCGACCAAGGACTCCATTCGAATCGAAGCTTGCTCGTC
CAAATGCAAGAATCAGAACTGGAGAACCTTTACACATGGAAGATTTGAAGGACTGGACAGTTGATGTGGTGT
CGAATGCACTCACTCGGGCTGAAGAGAGTGTTAGGCATGGTTCCTTCCAAGTGACTTTAGAGAAGGGAAAC
TGTCTCCAAGATTTGGAGATTTTCAGACTCACTCTGAACTGGTGTGTTTGGGACTAACTCCTGAAAATGTGCTTT
GAAGGATGGTTAGTTAACGCATTTTCAGAACTTAGCTTGTTTCTATGCTTGATCTGATATTCATCATGTAGGTTT
ATGCTTCTCCTATTTGATATTCTATGTGGAGGACAATCAGGCAGTGATGGGTCAGGATAGAGAAAGTAGGTAA
TAAATTTGTGACTGAATAGCGAATTGGTGGTGGAAAAGCTTGATAGTGGTGGATGGTTTATGCAATTCCTTA
AACGAGGGGTTTTTTGGCGGCAGAAACCAGTTGTGATCGTCCTATTATTTGTATCTTTGTAAACATGATAACCT
AGAATGAGAAATTTGAATTTTTGACCTCTAGAATGGAGGGAGGGTGTATGTATATATTTTTACCATTTGTTGTA
TTTGAAAAATTTTATTTCTTTGTTTCTACTCACAACAGCTAGTTTATAAAAACATATGGTTAATTCGTAATTTGAC
CATAGGAATTTTAACTCATGAAATGAATCCCTGTCAAATGGTCTCTTTTTTGAGATCTTAAAGCTTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_930 NM_121923|Arabidopsis thaliana ECR1 (E1 C-terminal related 1); NEDD8 activating
enzyme/ protein heterodimerization/ small protein activating enzyme (ECR1) mRNA, complete cds

GGACTTTCACATCTCTTCCACAATCCAACCCGAAGTAGCAAAGTGCCACTGCGGTTGAGGGCGCTGCGATTCA
ACAAACGGCGACTCAGTCCTGCGTGATAACCAAGCTACTTCCACTCTTCCACCCAACGCCATTTCTCTACCAC
CGGAAACCCCTTTTTACCTCTTTCTCCCCTTCTCTTTTATACTCCAACAATTGCCTCCGGCAGTCCAGAGTCGGC
GCTGTAAGGCATTCAAATGGCGGGCTCTGTCGTCCAATCCAGTCGATCGAGGGACCTCGATAAGCTCCTTCTT
AGGCCCCGTAATCTCATCGGCGCCAATTCGAGCCGGGTTCTCAATTGAGGGACGACCTTCAACAGTATGTGA
AAGTGTTGGTCATAGGAGCTGGGGGGTGGGCTGCGAGCTCCTCAAAGACTTGGCTTTGTCGGGTTTTCGGA
ATCTGGAAGTCATTGACATGGATCGCATCGAAGTTACTAATCTCAATCGTCAGTTTCTCTTCAGGCTTGAAGAT
GTTGGTAAGCCAAAAGCTGAGGTGGCTGCAAAACGTGTTATGGAGAGAGTTAGTGGTGTCAATATTCTGCCA
CATTTTTGCCGATTGAGGACAAAGAAATTGAATTTTACAATGATTTTCACATAATAGCACTTGGTCTTGATTC

AATTGAAGCTCGAAGTTACATCAATTCTGTTGCTTGTAGCTTCCTTGAGTATGATTCTGATGATAATCCATTAGA
AGAAACAATTAAACCAATGGTAGATGGTGGAAGCTGAAGGCTTCAAGGGGCATGCAAGGGTAATTTTACCAGG
GGTCACACCTTGCTTTGAGTGTACCATCTGGCTTTTTCCCCCTCAAGTAAAGTTTCCATTATGTACTCTAGCAGA
AACTCCTAGAACTGCTGCTCATTGTATCGAGTATGCTCATCTAATTAAATGGGATGAGGTTCATAGTGGA
GCTTTTGATCCTGATGATTCTGAACACATGAAATGGGTCTACAGTGAGGCTCTAAGAGGGCTGAGCTTTTTG
GCATTCCGGGAGTTACATATCACTAACTCAGGGTGTGTTAAGAATATCATACCTGCTATTGCTTCCACCAAT
GCAATTATATCAGCTGCATGTGCACTGGAAACGTTGAAGATTGTATCANGATGCAGCAAACTCTATCCA
ACTTAACATATAATGGT

>trans_s_931 XM_002329791|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ATGATAAAAAGGGTTGATCCCTAATGGCTTCATCTTCTAGGATTATGGACAAACCCCGTCACCACCAACAACA
ACAATCGTCATCAGGTACTCTAAAGTGCCCTCGTTGCGATTCTTCCAACACCAAATTTTGTTACTACAACA
CAGCCTCTCTCAACCAAGGCACCTTTGCAAAGCTTGCAAACGCTATTGGACTCGCGGTGGAACCTAAGAAAT
GTCCCTGTCGGTGGCGGTTGTCGAAAGAATAAGCGCCTTAAACTTCTCCTCCTCCTCCTCCTCTTTAGTC
AACGCTAATTCTACGTCAACTCCAAGTCAAAACCCTCGCCTTCTTCTTACACCTCCATCAATTCTACTACTGCTC
CTAATATTGTTTCTTCATCAGCTTTAAATCATACCAATAGCTCAATGTTCTTTGGGTGGATTCCATTGGTGGTG
GTGGTGGTGGTTTAGGGTTTTCTTCTTCTGCGCTTCTCTCGCACTTCAATAATCCACATCAACAACCTTCAATT
CAAATCATTTCCATCACCCACCATCTCCTTGACCGAAATTCCACCTTTTAGGTAATATCGATCCAAATTTGAT
GACTTCGATGAAGGAAATCAAGATAGAGGATTTGAACAGGTTGTGCCAGAATCAAACGGAACAAATTGATCT
ATCGAATTTCTCCGACCCGTCTTCGATCTATTGGAACCTCGGGAACGACGACGACGCGGGAACCTGGCAGAT
CCGACAACTATAATGGGTCGTCAGTTGCTTCTATTCTAGCAAGTATGTGTATTTGTATCTCCCTCTCTATTTT
TAAGGGAAAAAAGAATAAAGGTTGAGGAGCAAAGACGAGAGGAGTGGGATCGGTGCGATCATGTCAGCTG
CAAACAAAAGCTCTCAAAATCCTTCAAAAATATATCGACGTGGGTTTGAGAATTTTATAGGTAATTGCGCTGA
GAGGAACCTCGGATCCTCTTTCATTTGTCACCTTTATAAAACATGTCTTTTTTCTTTTTACTTTTGAACAACAA
CTTTCTTCATATCCTTAGTTCCATTCAATTTCAACATATAGAAATTAGATGAGACCTAATCAGCTCATTGGGGT
GTGTATTTAATGATTACATGCATGCGTTTCAAGGATTGGATACTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTGGGGGGG
GGGGG

>trans_s_932 NM_129431|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT2G38740) mRNA, complete cds

AAAGTAAAAACAAGTCGCATCTGTGAGTTAGTCGCTGGTGGGTTCTCGTCCTCATGCTCCATACACCTTTATA
AACCTCCCATTGCTTGTCTTCCAATACCATCTCCATTTTTCCCGGTTCCAATACCATTTTCATAAATTTCCC
ACATTTGAACACAAGCTTTCATCAATATCTGCCCACGATGACGGCTTCAAAGATGAAATTTAGTTGACAGCA
AAAGCTCTCTTGCCGCACTTGACCTGCGGAAGCAGTTCTATTGACGTAGATGGAACATTGTGTGATTGGA
TCCGCTTCATTACTATGCCTCCGTGAAATGCTTCAGGAGATTGGTTACAATGGTGGGGTTCCAATTGATGAG
GAGTTTTTCATTAATAAATGTTGCCGGCAAACATAATGATGATATTGCCCGAGCATTGTTCCCTGATGATTTCGA
AAGAGGTTTGAAATTTTGCGATGAGAAGGAGGCTATGTTTAGGAGATTGGTCACCGAACAATTAAGCCAGT
GAATGGCTTGATAAAGTGACGAAATGGATAGAAGACCGTGGATTGAAACGTGCTGCAGTTACAAATGCCCC
TCGGCCGAATGCTGAGCTTATGATCTCAATACTTGGTCTTAAGGATTTTTTGGAGGCTATCATCATAGGAGGTG
AATGTAAACATGCCAAACCACATCCAGAACCATATCTAAAGGCTTTGGAAGTACTCAAAGTGTCAAAGGAACA
CACTTTCATTTTGAGGATTCTGTATCAGGGATCAAAGCTGGAGTGGCAGCCGAGATGCCTGTCGTCGGTATA
GCAACGAGAAATCCCGAGCAATTGTTGATGCAAGCAAAGCCTACCCTTGTCGTAAAGGACTACGATGATCCG
AAATTGTGGGCAGCTTTGGACGAACTCGATAAGAGAGGAGGTACCGTTAAGAATGCATGATCATCGATGCAT
CATATTGATGAATTATTCTATCAATTCATTGCTACTCTCTATCTAATACTTTGAATAACTTAGCTGTAGAAATAA

ACCTGTCATTCTTCAGCCTTGGCTCTTAATACCAATCCTAATACAATCAAATAAGATGGTTAATAGATTAGGG
AAAGTCATTGGAAGGCCTATCGAACATATACAAGATTGCCACTATCAATTTTATTTTCTCCAGTGATATATTAC
TTGTTGCTTCCATGT

>trans_s_933 XM_002891094|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata
endonuclease/exonuclease/phosphatase family protein, mRNA

TCGATCGCAAGCAATTTTAGCAGTCCTTAAGAATCTTGAGGCTTATTTTCTCTGTCTACAGGAATTTGATGAAT
ATGATACCTTTTACAAAGGAAATTTGGAAAGATGTGGATATTCCAGCTTGTATATCCAGAGAAGTGGGCATAA
ACGTGATGGATTGGGATTTTTTCAAGCATGAAAAAGCTGAGTTGATCATAGAGGATAGAATTGAATACAA
GATCTTGTAGACTCTATACAAGATGATAGTGGTTCTTGTGAAGATAAGTCTGAAGATGTCCTAACCAAGTGCTA
GTAATGATGTTGAATCAAACAAGGGTTCATCACCAAAAACCACCGTAGCCTATCGTGGGGATCCTAATGATCC
CCGAGTAAGATTAAACGTGATTGCGTAGGGATTATGGCTGCTTTTAACTTGAGCAGCCTTTTCATCATGTTG
TAATTGTAGCCAACACCCATCTTTACTGGGATCCAGAATGGGCTGATGTGAAGCTCGCTCAGGCTAAGTATCTT
TTATCACGCCTAGCTCGATTCAAATCTTTAGTTGCTGAAAAGTTTGAATGCACACCCTCAATACTTTTGGCTGGC
GATTTCAATTCAACCCAGGAGATAAGGTATACCAATACCTTGTCTCAGGCAACTCTTCTTCTGGATTTTCCCCT
GAATGTTTGAAGAGCTTCCTTACCCCTTGTAGTGTTTATGCCAACATTCTAGGAAGTGAACCTTCCTTTACA
AACTTCACCCCTGGCTTCACTGGCACTCTTGATTACATATTCTTCTCACCTTCTGACTCTATAAGACCCGTTAGCT
TTCTAGAGCTCCCAGAATCAGACTGGCCAGAGATTATTGGTGGGTTACCTAATCATAGCTACCCAAGTGATCA
TCTTCCTATTGCTGCTGATTTTGAAATCACAATGGAATAAGCTCAGCATTCAAATCTTGCCCTCATTTTTTCC
TTCCTTTTTTCATATTGATTGTTTCTTTTATTTAAATGGAACAGACATTTGTTCTGGTTTCCATTAAAGTTGAGAA
TCATTGTAAACCTAGATGTTTTTTTCTTTGTTATGGTTAAATTATAAGTTAATGCTCTGTTCTGTTACAATTTTG
TTCCTAACAAATATTGATTAGTATTAAAGTTAATATCCTATTTTGGTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_934 BT014967|Arabidopsis thaliana At1g64880 gene, complete cds

AGCCGCACGCCCCATCGGCAGCTTCCTTCTCTCTATCAGTATCTCCATTGCTTCCCAACGCCACCACACTCATC
AACCTTCCATCCCCCTGCTTCCCATCTCTTCTCAGCTGCTTCCGCCCGCCGCCGGCACTCCACCACACC
CACAACCTAATGTCGTTTTCTAGGAAAAGTTCATGCTTCAGCAGAAATTAATAGGGCTATGCGAATTGTGGA
GTGGAAGGAAGCTTATGACCCAAATGATCCTGCCAACTATGGAGCCATTCAACGCAGACAATGAGGTCCATC
AGTTAATCTTGAGGAACAATCAGAATTTGCAAAACAGAAGCGAACCATACAGGGGATTGATGATGATGATGA
GGAAGAGTTTGATGACGTGAAAGAAAGGGATGATATACTACTGGAGAAGCTCAATGCTATAGATAAGAACT
CGAAGAGAAGCTAGCAGAGCTGGATCATACCTTTGGAAAGAAAGGAAAGGTTCTAGAAGAGGAAATCCGAG
ATCTTGCGAGGAGAGAACTCGTTAACTGAGAAGAAGAGAAGGCCACTTATCGAAAAGGCTTTGATGTGAA
ATTAATTGATGTGAACAGAACTTGTAAGTTACAAAGGGAGGAAAAGTTGTCAAATACACTGCTATCTTGGCT
TGTGGGAACTACCATGGCATTGTTGGTTATGCAACAGCCAAAGGACCGGCAGTCCCGATTGCTTTACAAAAGG
CGTATGACAAATGTTTCCAAAATCTTCATTACGTGGAACGGCATGAGGAGCACACAATTGCACATGCAGTACA
GACGGCATACAAGAAAAAAAGGCATATCTTTGGCCAGCATCACTACCACAGGCATGAAAGCAGGGAAAAAC
TGTTCAAACCTGTTTTGAATCTGGCTGGTTTTAAAAACGTCAAATCTAAGGTTGTTGGCTCAAGAAACCCCTGA
ACACTATGAGGGCCCTCTCAAAGCTCTAAATGCAATTGAGACTCCGAAGGATATTCAAGAAAAGTTTCGGACG
GACCGTTGTTGAGAAGTACTTGCTATGATAGGAGGTTTTCTTTTCTCTTCTTTTCTTTTCTAATTCACAAGT
TGCCGATTCTCAAGTAGATATACAAAAGGAATTTTGGTATTTAAGTTAAGACGTCGAGGCTGTAACCTTCTGTT
AAAGGTTTGATCGTCTCCCTTCT

>trans_s_935 AF020553|Glycine max ribosome-associated protein p40 mRNA, complete cds

CTCCCCAGCCGTTCTCTTCTCCTTTCTCCTTCAAATTCGCTATTTTGCAAACCCTAACGAAGTTCCGGCCATGGC
GACTACAACGGCTCCACGTCAACTCTCACAGAAGGAGGCCGACATTCAGATGATGTTGGCGGCTGAGGTTCA
TCTTGGCACTAAGAACTGTGACTTCCAAATGGAACGTTACGTTTTCAAGCGCCGCAACGATGGAATCTACATTA
TTAACCTGGGTAAAGACATGGGAGAACTTCAGCTGGCTGCCAGAGTCATTGTGGGTATTGAGAATCCACAAG
ACATCATTGTTCACTCTGCAAGACCTTATGGTCAGAGGGCTGTCTAAAGTTTGCTCAGCACACTGGTGCGCAT
GCTATAGCCGGAAGGCACACCCCTGGAACCTTCACCAACCAGCTTCAGACCTCATTCAATGAGCCACGTCTTCT
GATACTGACTGATCCTAGAACTGATCATCAGCCTATCAAGGAAGCTGCCCTTGGAACATTCCTACAATTGCCT
TCTGTGACACTGATTACCAATGCGGTATGTTGATATTGGGATCCAGCAAACAAGGGGAAACATAGCAT
AGGATGTCTCTTCTGGCTTTTGGCAAGGATGGTTTTGCAGATGCGTGGAATTCGTGCAGGGCATCAATGG
GATGTGATGGTGGATTGTTTTTTATCGGGAGCCTGAGGAGGCTAAGGAGAAAAGAGGAAGAAGAGGCTGT
TGCACCCCCAGATTATGGCATTGCAGATTATGGTGGTGCTCCGCTTGTTGCTTCAGATCAATGGGCTGGGCAA
ATTTCTGATGCACAGTGGGGGTGCTCCTGATTGGTTCCAGCACCAGATGCTGCTGTAGTTGTTCCACCTGTTT
CGAATGTCGAGTGGACCCAAGAGCCAGTTGCTTTAGCTTCAGATGGATGGGATGCTGCAGTACCACCACCAG
CACCTGCAGCAGAAGGTGGCGCCCCAGCTGCCAGTTGGTTTTAAGGGGTGGTTCATGAGAATTTGATTAATC
GTTTTAGAGTTTGCTTGTTTATGTAGGGGTCCACCTTTTTGGTTGCAAACCTCACTTGCTTTTCCCTCATAGT
CTACTTTTAGATTTTGAGATTGAAATTTTGAATTAACCTTTGGTGTCTGGTACAATTTTTGGGATATAAGAGA
AATTACTTGCCTAGACT

>trans_s_936 DQ118107|Populus tomentosa plastid division regulator MinD mRNA, complete cds;
nuclear gene for plastid product

CTAATTCTTACATTTGAAGGCAATGCGAAGCCTTCATCTTCTTCCCAATCCATTCTTCTGCAATTCCTTCCATTCC
AAGACCCTAACATCCCCAATCCCTAACCTAAATTCCTCCCCAAATCTCCTTCTTACCCCGATTAAATCCGTCC
TTCAATGGAATCGGAAGCCCGAGCTTGCCGGTGACACTCCCCGCGTCGTCGTCATCACCTCCGGCAAAGGTGG
CGTTGGAAAAACAACCACCACTGCTAATGTCGGCATTTCTTGGCCCGTCTTGGGTCTCTGTGGTAGCCATTG
ATGCGGATGTTGGCCTCCGAAATCTCGACCTTCTATTAGGGCTTGAGAATCGTGTTAATTACACGGTTGTTGA
GGTTTTAAATGGGGATTGTCGGTTGGACCAGGCTTTAGTGAGGGATAAACGATGGTCAAACCTTTGAATTGCTT
TGTATTTCTAAACCTAGGTGCGAAATTGCCGATTGGTTTTGGTGGGAAAGCCTTGTTTTGGCTTGTTGGATGCGTT
GAAAGCTAGGCAAGAAGGTTGTCCTGATTTCATTATTATCGATTGTCCTGCTGGAATTGACGCTGGTTTCATTA
CCGCCATTACACCAGCTAATGAGGCAATTCTGTGACCACACCGGATATCACGAGCTTGAGAGACGCCGACAG
GGTGACTGGTTTGCTCGAATGTGATGGCATTGCGGACATTAAGATGATGGTGAATCGCGTTCGGACTGATAT
GATCAAAGGGGAGGATATGATGTCTGTGCTAGACGTACAAGAGATGTTGGGATTGGCTTTATTGGGTGTAAT
CCCGGAGGATTCAGAGGTAATTCGCAGCACAAATAGAGGGTACCCTTTGGTTTTGAACAAGCCACCTACATTG
GCGGGTTTGGCCTTTGAGCAGGCAGCTTGAGGGCTTGTTGAACAGGACAGTATGACGGCTGTGATGGTGCAG
GAGGAGCCAAAGAAACGAGGTTTTTCTCATTCTTCGGAGGCTAAGAGATCAAATTCCTTAGGAGAGAAGG
TTGTGTAGATCTGCTCTGATCTTAAGGGTGGCCATGTACAAATTGGAGTAGAAGGATTTTGGTAGTGTTAGAA
AAGCAGCTGCAACTCTGCCATTGTTTGTCAAGAGGAGATGCTCCGGTGAGTAGTTTTGTATAGTTTGGTTTG
ATTCTGATTCTCTTAATT

>trans_s_937 NM_111635|Arabidopsis thaliana DNA binding (AT3G07565) mRNA, complete cds

TTGACACTTTCCGACGTCAAACCTCCAAACCCTCTCTCCAATTGCTGTATACACAGACATCGGTCTCATTCTCT
CTCTATTTTTCTGCAACTTTCTTTAGTTTATTTTCTTCTTTACCCGAGCTCCCTTCAGTCTTAATCCGTACAAATCT
TCCACTCTCATTTCCCTCCTTTTTTGTATTTTTTATTTTTTTTTCTGTTTCTTCATTGATTGACCATCTATCTTC
AATTTTCATTTGAGGTTTTGTTGAGTCGTTTTCTTATGGGTTTCATTGATTTTTGTTGAAAGAATCTGAATTG
GCGGGAGCCAACGGTCAATTATGTGGTTTTAGGAGGTGGGTGGTATTGGATTGGATTGGGATTGGAAAA

CGTTTGAATTGTTGTGAGTTTTGATGGCTAACCCATCTGGGAACCATCAAGAAGCTGGCCAACCGTCGTCTTCC
TTCGATGGAGGGAACCCAGCAACGGTAATTCGACACCTGTGCCTGCAGCGGATAATTCGAGTTCGGCTCTTG
CTATGAAGCATAACCCAGGTATCTCTACGGATTGGACATCTGATGAGCAGGTCACACTGGAAGAAGGGCTTA
AGAAATATGCCGCAGAGTCTAGTGTTATTCGGTATGCCAAGATTGCAATGCAACTACCAAATAAGACTGTACG
AGATGTTGCTTTGCGTTGCAGATGGATGAATAAAAAAGGAAAATAGCAAGAGAAGGAAGGAAGAACAATT
TAACAAGAAAGAACAAGATAAAAAAGGAAAGAGTATCTGACTCTTCAATGAAGTCAGCACAGGTTGCAGCAA
GGCCTAATGTGCCTCCTTATGGAATGCCTATGATTCCTATGGACAATGATGACGGTGTCTCATATAAAGCTATT
GGTGGTACAACCTGGAGAGCTTCTTGAACAGAATGCACATGCAATGAATCAAATTTCTTCTAATCTTGCATCTTT
TCAGATACAAGATAATATCAGTCTCTTCTGCCAACGCGGGACAACATCCTCAAAATAATGAACGACTTAAAT
GAAATGCCGGAAGTAATGAAGCAGATGCCACCTCTCCGGTGAAGGTGAACGAAGAGTTAGCGAACACGATC
CTTCCGCCGACTTCTATTCTTGAATCATGAAAAATCTTCAACAAAAAAGTGGTTCAGCAAAAACACAGAAGT
CCCTTTCAATTC

>trans_s_938 BT015750|Arabidopsis thaliana At3g09032 mRNA, complete cds

GTTGTCTCTCTCTTGCTCCCCTTTTATTCTCTCCCTCTTCTACTTCTTCTCATTCTCCTTTTTATTCTCTGTTGGCT
CCACTCATCTCTTTTTCTGACCTAATCCACTTCCCATTGCTTAATCTTTAACCAAAAGTCTCTGTTGCAATTTG
CACATATGAAAAACCTAATCTTTCCTTAAATCCTTCAATTGCAAACCAAGAATAAGAGGAGTTGTAAGCATATT
CTTCAAAGTTTTTTCATGGGGTCCAACGTTTTCTAAAGGGTAGGTAAAAGTTCCTGGTGCATCACTCATTGGA
ATCCATATATAAATGACATGTCTGTTGAGCGTAATCTAAACGCTCACTTTGAGCCTTACTCCCGACTGAATCA
ATCTTCTTCAATCTTCTACAGCGGAGAGTTACTTAATTAAGCCCCATTCTTTCGCTTTCATTCTTCTCTATTTT
CTTAAATTTGAAGCAATAAATGCTCCTTATTCTCACAACCTAACACACTGTCTCTTCTCTCAAGAAATCTACTCC
ATTTACTTCTCACACATCCCTTCCCATATCTTTTACACACTACACGAAATCTCTTTATCTTCTCTTTAAAGCCAC
TATTTTACCCTTAGGATTTACATCTCAGTTGGAAGGTTCAAATGTCAAGGAAAGCGAGCAAACGAGTCAGCTT
CAGTCTGATGTGAATGATAAGCCAACGGTTGTGCTCAAACACGGCAACGGTGGTGATGGCGGAGCCGGAAT
GTGGAGCTTCGGCCTTAGCAGAGAAACAAGGTACTTGCCGGTGAGGTTTCTACAGAGCCTTAAGGCCAGAGT
AAGTGAAGCAATTCGCTTTGTCTCAACAAGAAAATCTTACGAAAGGTTTCTTCAAGCCTCCACTTTTACAAGGT
CAAGATCGGTCTCGGATTCCATGGACTCGCATCGAGCTGAAGCCATTGAAGATTGTATCGAGTTCCTAAACCA
CTCTTCATCTTTGTCCAGATCAAATTCAGTCTCTGGAAGTACTTACTGAAAGTTCTGTACTTGTGAGAATAGAA
AATGTGCATGTAAAATTTAGTCGATATTTTAGACATTCTTTTGCCTGCCCCGTCTCTGTAAGATGATGCTTTAGCA
GGAGATAATAGAGTTTCTGCCTTTGAAGCTAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_939 AF180292|Medicago truncatula MTD1 mRNA, complete cds

TTCACAAATCCATAATTTTCTACATTTAAATCTTGTCCCTTCCCCTCTACACAATCTCTCCACTCCCATGGATATA
TGAATCCAAAAGTATATCTATTAATCTCATCTTCATTTGAAAAGTGTATCTTTTGGTTTAATCTATCTTGTTCCT
TCTCTCTTGGATTTCATCATTCAAGTTATGTCAATTGCTCTGGAAAGCAATACCAGGATTCCTCCCTCCGTTTTT
CTCAAGCTGGCTTGCCCCGTACTGCTCTGTCTTGAATACGACCGGAATTATTCCTGATGTTGCGCGGGAGGC
GGCCGTTGCTGATGCGGTGGCGCCGAGGATGTGGATAGATGTAGTTCGTCTTCATCGTCTCGATCGGAGA
AAACAGTGGTTTCTCTGTACGGTCATCGGATAATGACGATGGAGAGGATAACGAGGCGGAAAGTTCGTATAG
AGGACCTCTAGGAATGGAGTCGTTGGAAGAAGTTTTGCCTATCAGGAGAGGAATTTCAAATTTCTACAACGG
GAAATCGAAATCCTTCACAAGCCTAGCAGACGCTTCTCTCTTCTCCTCCATTAAAGAAATAGCGAAGCCTGAA
ACGCTTTCTCTCGAAAACGGAGAAACCTTCTTGCATCTAATCTAATCGCCGGCGGCATATCAAAACGTCGGATT
ATTAGTTCAAGTCGAAGCTCGTTAGCGTTGGCCGTCGTCCTGAGCAGTTCTGAAAGCCACAAAAATAACGATC
TAAATTCATAATACTCCGCCGACGCCGATTCTGCTCTCCATTGCACCCCAACGGACGAGCATCTCGTATCAAT
TCAGGTTCTGCAGTTCCATCTCTGTAAATTCCTGACTTGGCGATCATACTCCATGGCCAACATACAGTAGCG

TAAGAGAAGGGTTTTACCATGGCGTCCATGGAAGCTAAATCACCATGAAAGACGACTAACTTGACCTTGTGAA
ACCGAGTTTCATCGAATCGGTTTCTGACGAATAACTCATTTCTTTCAAATTGTCCACGATCTTAGTAACTCTGT
TTTGATTTCTTTTTGTATGTATGTAAATTGAAAAGAGAAAACGCATAGCAGTTCATATTTGAATCGAAATCTG
TTTGTCATAGAATTTGAATTAGCAAATGGAGAGAGTACGAGAGAGTTTCTTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_940 FN430417|Prunus persica mRNA for epoxide hydrolase 2 (eh2 gene)

ACTCCTCTCTGGCACACCCAGAAATTCAAATTTGAAGCAGAAATAGAGAGAGAGAGAGTTTCCATGGACGC
GATTCAACACACCACCATCAAAACCAATGGCATCAAAATGCACATTGCCTCTGTAGGCAATGGCCCCGTCGTT
TTCTTCTTCACGGCTTCCCCGAGCTTTGGTACTCATGGCGCCACCAACTTCTCTACCTTTCTCCGTCGGGTATC
GAGCCATCGCGCCGGACCTCCGCGGCTATGGCGACACCGACTCCCCGAATCGCATACTTCTACACCGCCCT
CCATATTGTCGGCGATTGTTGGTGGGGCTTTGGATGAGCTTGGGATTGAGAAGGTGTTTCTGTAGGCCACGAT
TGGGGGGCGATCATCGCTTGGTACTTTGCTTGTTCAGGCCTGAAAGAATCAAAGCCTTGGTGAATCTGAGCG
TCCAGTTCTTCCCTAGAAATCCGGCAATTTCTTTCATCCAGCGTTTCAGAGCTGCGTATGGTGATGATTTCTATA
TGTGCAGGTTTCAGGTTCCAGGAGAGGCAGAAGCAGATTTGCCTGCATTGACACTGCTCAACTGTTCAAGAC
AACGCTATCTAATAGAAGTACAAAGGCTCCTTGTGCTTAAAGAATACGGATTTTCGCGCCATCCCACCGCCA
GAAAACCTTCTTCTTGGTTGACAGAAGAAGATATCAACTATTATGCTGCCAAATTCAAGGAGACAGGCTTCA
CTGGAGCATTGAACTACTATCGCGCTTTTGACTTAACTTGGGAGCTTACAGCGCCATGGACGGGAGTGACAGAT
TCAGGTACCCGTGAAATTCATCGTAGGCGATTTCGATTTAACTAACCATTTTAAAGGAGCCAAGGAATATATC
CACGAGGGCGGGTTCAAAAAGGACGTGCCATTGCTGGAGGAAGTAGTAATAGTGGAAGATGCTGGTCACTTT
GTCCATGAAGAAAAGCCACATGAAATTAATACTCACATTACGACTTCATCAAGAAATTTGAACAACATTTCC
ATTACTAACCCATGTTAGTTTCTGTTGATCTGGAACTTTTGATGCTTTCAGCTGTTTGTCAATTTGTTAAGCCT
TCGGAAAGCAACAAGGAGCAAGAACAGTCAAATCTGTGTTTGAATATTTTCTTAATTTATGTAGTTAAACA
ATGGGTTTTTTTGA

>trans_s_941 XM_002874895|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Os01g0254000, mRNA

ATTGCCCAATTTCTATTTCTACAAGGTTTTAGAACTTTCTTATTGCGTCTTCTCTCTCTCTTAACCTGCC
TTCTGCTGAGGATTCTCAATCGGAGTGACACAACCCAAACAATCGCCTAGCTCGTTCTTGTGCTGCTGCTGAC
TCCGATCGATTCTCCATCCCCTTCTTTTACCTGTATCCTCAATTATGTTTCTTGTGCTGCTGCTGCTGAC
CTTGGCCTCCCTTGGTCTCTGGCAGAAGGAGGCCAAAATCCTGTTTCTTGGCCTCGATAATGCCGGAAAGACG
ACCTTGCTCCACATGTTGAAAGATGAGAGGTTAGTACAACATCAACCAACACAGTATCCTACTTCAGAGGAGT
TGAGCATCGGGAAAATTAATTTAAGGCGTTTGATTTAGGAGGCCACCAGATTGCTCGTAGAGTTTGAAGG
ACTACTATGCTAAGGTCGATGCCGTGGTATACCTGGTGGATGCCTATGATAAAGAGAGATTTGCTGAATCCAA
AAAAGAACTTGATGCCCTCCTTTCGGATGAATCACTTGCAAATGTCCATTTCTCGTGTGGGGAACAAGATCG
ACATACCCTATGCTGCCTCAGAGGATGAATTACGATACCACCTCGGCCTAACCAACTTCACCACTGGAAAGGG
GAAGGTAAACCTAGCAGACACAACAGTCCGTCCTGGAGGTGTTTATGTGTAGCATCGTCCGCAAATGGG
GTATGGTGATGGCTTCAAATGGCTTTCTCAATACATTAAGTAGGTGGGATAGTCACAGGTCACGATTGCCATG
ACACTCCATAATAGCCAAACGTTTGCATTAGGTGCACATGTACTGTTGGGTTCCATGTGGGATTGAGGTTGAT
ACCCTCTATCACTGGTCTGTAAATTTGTGTATCAATAGTTTGTGTTATTGGCCATTCTATCCAGATTGGTATATG
TATGCATTTCTTTTCTAGATTGAGCCAAACAGGATTTTCTTTTCTAGACATTGTAAGACTTGAAAGCAATACAG
CCTATGTGGTTTGTGTTTGGGTATAAAATGTTTGGTTTATAGTGCAAAGCCAGGAGGATGTTGCAATTTGTTCT
GTTTATCATTGTACTGTTTCTCCTTCGTCCCATCCTATCCCGGTTTCATTGTAAGTATTAGTGTGTAAGACAT
CTTATATT

>trans_s_942 XM_002328233|Populus trichocarpa glycosyltransferase, family GT8, mRNA

AAAAAGAGTGCATTCTTGACTCACCTAGCAGCCAAAACAGTCCCTAAATCCTTGCATTGCCTCCCTTTACAAC
AGCAGGAGACTATTTCTACAGGGCCATCATCTTAATCATAATATTGACAGAGAAAAGATTGAAAATCCTTCTC
TGTATCACTATGCTATTTTCTCAGATAATGTGTTAGCTACCTCCGTTGTAGTCAACTCCACGGTTTTGCATGCTA
AGGAACCAGAGAAACACGTTTTCCATATTGACACAGATAAGCTGAATTTTGCTGCTATGAGAATGTGGTTTCTT
GTTAATTCTCCTTCAAAAGCGACAATCCAAGTTCAAAACATTGATGACTTCAAGTGGGTGAATTCCTTCTACTG
CTCCGTTCTCCGACAACCTGAATCTGCAAGACTTAGAGAATATTACTTCAAGGCGAATCATCCTTCTTCCCTCTC
CGTTGGCATGGATAATCTGAAGTACAGGAATCCGAAGTATTTGTCCATGCGAAATCATCTTAGATTCTACCTCC
CTGAGGTGTATCCCAAGTTGGACAAGATCCTATTTTTGGATGACGATATCGTAGTTCAGAAGGATCTAACGTC
CTTGTGGGACATTGATTTGAAAGGTATGGTGAATGGGGCAGTGGAGACCTGTAAAGAAAGCTTTCATAGGTT
TGATAAATATCTCAACTTCTCAAATCCAAAGATATCGGAGAACTTTGATCCAAATGCATGTGGTTGGGCATTCCG
GCATGAATATTTTTGACTTGAAGGAATGGAGAAAACGAAACATGACTGGAATCTACCATTACTGGCAAGATCT
GAATGAGGACAGAACTCTGTGGAACTTGGGTCGCTAACGCCAGGTTTGATCACCTTTACAATCTTACTTATC
CACTAGACAGAGGGTGGCACGTTCTGGGGCTCGGATACGACCCCGCCCTCAACTTAACGGAAATAGAGAATG
CTGCAGTTATCCATTACAATGGAAATTACAAACCTTGTTAGATTTAGCTGTTTCCAAGTACAAGTCGTAAGTGG
TCTAAATATGTGATGTATGGCAACCCTTATCTCCAGCTTTGTAACATCAGTGAATAACAATTTTGCCACCCCT
CTTTTCACTCAATTTTTTAATAGAAAGGAATGAAGTAGATCGTTTTTGTATTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAA

>trans_s_943 NM_111598|Arabidopsis thaliana GPI transamidase component PIG-S-related
(AT3G07180) mRNA, complete cds

AGAATTAGCTCCTATAGCAAATGTCTCAGTTGAGAGTCAGGTTTTATATCATACGCCAACCTCCTCTTTTCTTA
CTGGGACAACAAGCAGGAAAGCTACATCTTCAATACTAAAGATCTTCCCTTTTTTGTGAATTCAAACGAATGGC
ATTTGGATACTTCAATTGCAGCAGGCGGGAGGTCAAAGATATTGCATTTTGTGGTATATGTACCATCAGCAAG
GGAATGCCCTCTTCTTTAGAGCTACCTGATGGCCAGATTCAGAAACAAATGGGTTTATTTCTCCTACGTGGG
GAGGCGTAATTGTTTGAACCCTAAAGGCTGCCTGAGAGACCATGAAAGTAAGCAGCTCCGTAGGCATATGA
TTTCGAATCCGGAGCTGGAGAAAATCGTTGAAGTATTCCTGGGGCAATTCGGCAACTTTTGGTCTAAAGTC
CAATCCCCAACATGTTGGTCTGTCGGGCACATTCAACATTTTAACCAGTCAGAAAGGCTTTACAGAAATGGGAA
ATGGATTTCTATCGAGGCAGCATTCATGTTTAATCTTCATTCATGTGCTTCATCCCTCGGATCTCTTTCTAGAT
TGGTTCAATCACTGCCGAGGATGATTATCATTGATGAGATTGGAAAACAGGTAAAATATTCTCTCGAGGCTGC
AACTTGGCCAGAAAAATGCCTCTATGGGAGTTTTTGACGCAGCAGCCATATCTCCAGGCAAGCAAGGTCT
CTAGCAGAAGATGCATTTTTTCACCCATCAATAATGTCAGTCAGCTATTTTTCATTTGAGCACTGCTTTGCTGTC
TACTCGCCTTTCTTCTTGCCAGTTGCTTGCACGTAATTTGGCTGCACTGAGAGAGTGGAAAAGATACAAGCA
AGAACACAAGAAGTATTTAGCTTTTTTGCCAAACCAAAGCGAAGCTAGCAACTTAATCATGGTGAATTTGTG
TCGGCTTAGTCAGTTCTTTCTTTTTCCCATTTTAAGTTGTCTTATAACTTGAGAATGCTTCTCAATAATGTATT
CTTATTTATATATATAATTTTTGAATGTTAGTTTAGTTCTAAACAAGTAGATATCTAATATTTGTGGCATCTTT
CCGAAGGACATTAATTGTCATTTATGAAAGTTTAGGATTTAAATTTAGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_944 BT025024|Arabidopsis thaliana At3g52040 mRNA, complete cds

GCCGAAGAGAGCATTTAAAAGAAAGAAGCCATAGGTTTTTCTATAAACCTAATTCTACTTTGGATAAGAAT
TTCGGAGGAAGAAGATGACTCAGAAAGCAAATCTATTCAAAGGTAAACAGAAGAGGAAAACCATTCCTCCCA
ATCGCCATGGAAAAATCCCCAACTCGCAAAGGGAAAAGATTTGTGAAGCCATCAAAGACTACCAAAGAGA
TGGAACAGATCGGGAAGTAAGCAAGTTTATAAATTACTGCAACGAAACAAAGGCGGCTACTTTAGCAAACA
AGGAAGGTGGGCAGTTGAGTATTGTGAAACTCCAGCAAATGCGGATAATAGTAATGCAAGAAAGAGTAG

AGAACAATTCAGACTTGTAGTGTTACAATATTGTGAAATTATTTGTGATGTTATTCCTTTCTCCTTTCTTTTCC
ATCCATTTTATCCCCACTCCGTTGAGAAGGTGAAAATGATGTGTTGAGTTCGTCTTCTTAACGCAGTTCTCAA
TTTTGTTAGGAGTCAATGATTTATATATTATATATTTGTTTTACTTTTGTAAAGAAATAGCATATGCAGAAATCAA
GAGAAAAGACCAATCACAAATTTGGTCACTTTTTTGTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAGCCCCCGGCCCAAAAAAGTTACCGATACCCCCAACCCCGAGGGGGGGCCCGGTACCCAATTCCCCCTA
AGGGGAGGGGAAAAACCCGGGGTCACGGGAGGCCTTTTTAAACCCCGGGACGGGGAAAAACCCGGGGGTT
ACCCAATTTAACAGCTGGCAAAAAACCCCTTTCCCAGCGGGGAAAAAGCAAAAAGGCCCGCACCCATC
CCGCTTCCCAAATTTGCCCCGCCGAAGGGGAAAGGGGACGCGCCCGGAAGGGGACCATTAACCGGGGCG
GGGGGGGGGTTACGCCAGGGGACCCCTCTTTTGCAGCCCCCTATCGCCCCTTCTTTCTGTTTTTTCT
TTCCTTTTCCCCAAGGTCCCCGGTTTTCCCTCAAAGTTCAAAATAGGGGGTCCCCTTTGGGGATCCAAATAA
AGGTTTTAAGGGCCCCCGGCCCAAAAA

>trans_s_945 NM_105788|Arabidopsis thaliana SAG18 (SENESCENCE ASSOCIATED GENE 18)
(SAG18) mRNA, complete cds

ATCCAAAACACAATTCACGTGTAGTAGACGAGACGGAACCTTTGATCTTTCTTTCTCAAAGTCCAAACATACA
ATTGAGGAGCTGAAACGAAGAGACAGACAGTGAGTGGTTGACGAGAACAAACCGACAACCTTCACAAAAATC
CTTCCGACCAAAATGAATAAATCCACCATTACGCTTGGCTTGTTCATTGTATGCTTCCTTGTTTTGATGATC
GTCACCCCTTCCATCCCTCAGACCCAGGACTACCACGATTTTCGTGATCACCGCCAATTTTTCGGTATACCTAAC
ACACTGAACGTGGTTTCAAATTTCCATTCTTGATTATCGGCCTCATAGGACTTGTACTTTGCTATCATGAGAAT
TATTTTAGGCTGAGTTTGCAGGTGAGCTTTATGGTTGACTTGCTTTTATATTGGCGTGGCTCTGTAGCCTT
TGGCTCCTCTTATTATCATCTTAAGCCAAATGATGCTCGCCTTGCTGGGATCGGTTACCCATGACCATTGCATT
CACTTCGATAATTTCAATATTTATTATTGAAAGGATTGACGAGTACAAGGGAACACTGTCCATCATACCTTTATT
GTTGGTCGGTATAGTTAGCATTTTATACTGGTGCTTGTGTGATGATCTACGCCCTATGCATTGTCCAGTTTGT
TCCTTGATTGCTATTCCATTAATGACTATTTTGTACCTCCTATGTATACACATTCTACATACTGGCTTTGGGCT
GCAGGATTTTATCTATTGGCAAAGGTAGAAGAAGCTAGCGATAAACTGATATATAAATGGACATATCATATTG
TTAGTGCCACACACTCAAGCACTTATGTGCTTCTATGGTCCCTGTCTTCTTAACATTGATGCTTGCCAAGCGA
ACAATTGAACCAGACAGGCAGAGTTTATACAAGATTTGGAAGGTGACATTGATGAAGTTTAGAGATGATAAA
AACAAGGTAGAGGCATCAGTTTGTCTTCTCATCTGTCCCTATCCTAGAACCACAATAGTTTAGATTGGAAT
ATATTTCACTTAGGAAATATCGCTCTTATACTGTATAGCTGCATTGAGAAAGACCACAGAACTCAAGTCC
CAATGTAACTCTCTTTAATTATCTCAAATTCTAATTGCTTCTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_946 EU189947|Medicago truncatula SINA3 mRNA, complete cds

TTTCGTTTAAACAAATACAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAGTAAAAGAATTTCCCTTTTCTCTTCTGGG
TATTTTGAATCTTTGATTGATTGCCCTCCATGAAAAGGGTCACAGAACTCTCAGATTTCAATCAAATGAAT
AAAGAAATCGAATAAAATTTTCGAATTTTCGAGGACACTGAAGCCGGCCTGCTTGTTGTTGTGGGCAAGGGGA
GAAGGGTCCGCACGTCTTAATTTCTCTTTTTCTTTTCCCCTTTTTGTTCTTCTCGAGAGAAAAAAAAATCTCT
CTCTTTCATCATACGCTCCTCTTCCTCGGCTCCTCCTTTCCCTCTCTCTCTCAGCCTTTAATTTGAATTCCTC
CGTTCCCAAACCGCTCACTTCTTCACATTTCTCTGTATTACCTCTTTTACTTGCGGTTTATTGTCCTATCACAA
CCAAAGTTGTCGTTTACTCAGATTTCTTGGTGGGGCTCTCGTTCTTTTGGAGCATTCTATTGATAAAAAATGA
CATCTGCAAATCCTTATTTTGTGACATCCGGAACAAACCTGAGGTTATCGATCCTCCCAAGATGATGATATG
ATGGATGTTAGTGAAAGTGTGAGTGATCCTGCTCGAGCTGGAGGAAAACCTAATATAGTCTCTAGCAGTGTTT
GTGAGCTGTTGGAGTGCCCTGTTTGCTTAATGCTATGTACCCTCCCATTCATCAGTGTTTGAATGGTCACACA

TTGTGTTCCGGTTGCAAGCCTAGGGTGCACAACCGGTGTCCAACCTGCAGGCATGAACTTGGCAATATCAGAT
GTCTTGCGTTAGAGAAGGTGGCTGCATCTCTGGAACCTCCATGTAAATACCAAACCTTTTGGATGCGTGGGCAT
ATACCCATACTATAGCAAGCTGAAACACGAATCTCAGTGTATATATCGACCCTATAACTGTCCATATGCGGGTT
CGGAATGCTCGGTTATTGGTGACATTCCATTTTTGGTAGCCACCTCAAGGATGATCACAAAGTTGACATGCAT
AATGGAAGCACTTTCAATCACCGGTATGTCAAGTCAAATCCGCAAGAGGTCGAAAATGCCACCTGGATGTTAA
CGGTTTTAGCTGTTTTGGTCAATACTTTTGTTCATTTCGAAGCTTCCAGCTCGGAATGGCACCTGTCTACA
T

>trans_s_947 NM_104700|Arabidopsis thaliana 3' exoribonuclease family domain 1-containing
protein (AT1G60080) mRNA, complete cds

TGTAAACAGATTATAGTACAAACAATGGGACTGCCAAATGCTGCTTCTGGGGACTTGTCTGTCGCAAAATGGAA
GTCGATGCTTTTAGACGACTCTTCTATTAGTTTTATGAGCGCCATCTTGCTGAATCAATACGTCCTGATGGA
AGAGCACTGGGAAAAGCTAGAGACACAACCATCGCTCTTGACCAGTATCTTCTGCAAACGGGTCAGCCCTTG
CTAAGATTGGTTCGACGACAATGTTGGCTGCTATTAATAATGGAAGTAATGATACCTTCTGTAGATTCCCGGAT
GAGGGTTGCATAGCTCTTGATTTCACATGCCTCCAGTATGCTCTCCAATCGTTAGGCCTGGGAGACCAGCGG
AAGCAGCACCTGTGATTTCAAAGCAGTTATCTGACACTATTTGAGTTCTGGGATGATTGATCTGAGAGAACT
ATCTCTTGTTAAAGGAAAAGCTGCTTGATGGCTTACTTGGATATTTACTGTTTGGACGCTGATGGTTCTCTTTT
TGATGCTGCACTTCTTTCTGCAGCAGCTGCATTTTCTATTGCAAATCCCTGTTGTTGCTCTAAATGATGATGG
AAGAGTAGTATTTGTCTCTGAGGAAGAAGGGGGAGAAAACCTTGAGAAGGAACCTGTCAATAAAGAGAAAA
GGAACTGAAATTGAACTCCGTTCTTTCTCATTAAACATGCCTACTCCACAAGAAGTACATCTTGCCGATCCT
ACTGCAGAGGAGGAGTCCGTCATGGAACTATTGTAAGTGTGGTTTTGGATTCATCTGGTCAACTGGTTTCCTT
CTACAAGCCGGGTGGTTCCGTTCTTGCTTATACATCAGCTGTTCAAGATTGCATTGCCTTGACAAGACAAAGAT
CGAAAGAACTACAGATAATTTTAGATGAAGCAATTTCTGGTATGGAAATCGACTAAGCTTGCAGTATCTTCTAC
CGGTTTTAATGAATTGAATGGTGGATGGTTTGTAGGCTTCCAATTAATACTTGTGTTGCTCCAGAATTTT
GGTGGTGATATTTGCTTACCCTAGAGATTGTTTTGTAAAATTTGATCTCAAGGAATCAATTTTCGTGCAGGCG
TCTAATTTCTATTGCCAAAATATCTCTTTATTATTAAATTCAAGTTAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_948 AJ621062|Antirrhinum majus partial mRNA for SEU3B protein, 3' end

TGATCAAAACACAAACGGCGATCAAAGCTCTGCTCAGGCTGCTCCGATGCAGCTTGCTGCTAACAATGGCGTT
CCTGTTCCAAGTGCAAATAACTCTGCTAATCCAGCATCAACTTCATCTCCCGCCAGTACCATTGTTGGGTTACTC
CACCAGAATTCCATGAACTCCAGACAGCAGAACTCTATCAATAGCGCTGGCAGCCCTTATGCTGGAAATCTG
CGCAAATATCGTCTCCAGGTTCTCAGCAATTGCTCAGGCACAAGCAAACCTCTCGTTCCAATCGCCTGCATTG
TCCTCAGCTAACAATCATCCACAATCATCAATTGGCACTGCAACAATACTAATCACCTGAGTGCCGCTAATTCT
CCGGCAAATGTTCCCTTGCAACAGCCTACACAATCTTCCGAAGCCGATCAAAACGAGTCCCAGAGTTCCGTGC
AAAAGATTATTAGGAATACATGATGTCAAATCATCTAAACGGGATGAACACAATGACTGGTGTATCCTCCAT
AGGAGATGATGCGAAAACGTGAACGGAGTGTTACCAGGAAACAATGTTATGAGTCTCAATGGACGGAACGG
CCTCATCGGAACAGGAAATGCTAATGGCGTTTTCTGGAATGAGGAGTGCAGGATATGGTTCAATGGGTGGTGG
TGGGGGACTCGTTCAGACTAATGTAGTCAATGGAATGAAGTCTGCAATGGGAAATAACTCGATTCAAATGG
GAGAATTGGGATGGCGTCATTGGCTCGAGAACAGAGCATAAATCATCAAGACTTGGGGGACCAGTTCCTAA
TGGACTTGGAGCTGTGAATGGATTTAATAATCTTCAATTTGATTATTGAATCAAGAGGATTGAAGAGAATTAG
TCTTCTACGGATGGGAACCACACGATGAAAACAGGGTATGATGGGTCTTGTTCTATACTGATTTGTTATTTAAA
AATATTAAAGGAAAAAATGTGGTGGTTGGAGGTGTTGCCGATTGGGTCCGAGTGAGTTTCTTTGATTTCTAAT
GTACAACTGTGATTTTCCCCCTTTTTCTTTCTTTTTTGTAGTTTCTTTTGCATTTTAGATTTATTACCCTT

CTGTTAATCTTTTACCTTTTACCTTTTCTTGGCTTAAAGAGTAATTTTGAATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_949 EU359698|Nicotiana tabacum isolate OIPK-L cultivar sumsun NN mitogen-activated
protein kinase mRNA, complete cds

GGTGAAAGAATTGGAGATCTCTGATTGGGAGCCGTTTGAAATTGCAGACATGATTGAAGGTGAGATATCAGC
TCTGGTTCCAACTGGAATAGAAGTGAGTTAACCAACCATAGCCTCAGCTTCAGATATGCAGAAGAAGATGAT
AATGTATCTCATCATACTTTCCGCTCGGTCTCGTCGTCCCAAGCAACAACCTTTGGGTCTTATCTCCTCCCCA
AGAACAACCAAAACATTTCAAATGGTTTTAGTTGGTTTCCAGATGATACGCTTGATGATAGCAGTTCACAATG
CTCATCAGTGTGCGGAAAATACTCCAACCTGAATTATATCAGCAGCGAGGAGTACGAGACCAGCATGAGTTCA
GTCCAGATAGATCAACATAACAACATCAATAAGATTCACAATTCCTCAAGATTTTGTCTATTGAGAACCGCAA
AAACAAGGATTTTTTGGCTCAACTTCTATACAAGCAGAGCCAATGTGCGATAGCAGGGTCTGCTCAAGGAGTT
GCCTCTTGTGCGAAAGACAAGAGAGGAACAGATGGTCGTAAATTAACAAGGAACAGATCACTAGTAGATGTA
CATAGCCAATTGCTGCATCGTTCTTTAGTGGAGGAAGTGAATAGAAGACGGTTATTCAAGACAGTTGGAGCA
GTCGAAAGCATAGGCTTTCAAGCACCTTGTGAGGTTTCTTCCAGCAAAAAGGTCTCGAGTAGGCAACCGATTG
GGAACCGAAGTAGTGATGTAGCAAGAACGAGGAGAAACGACGATATTATATGGCAAGATGTTGGAAGGAGA
ACATGAAAAATGAAATGTTATCCTTCAAGGAGAATTGTAGAAATGTGGGAGCTAAAGAGCTGATTGTAAATA
GTTGAAGCTTTGGGGTCAGAATCTGATAGAGAAGAGGATTGAAGGTATAGATATGGCTGAGTTATTTGGATG
AAAATGAAATGAAAAATGACAATGTTTTTGCCTTGATGTATTAGTGTGTGCTTGGTTTTCAAGATGAAGGTGC
CTACCCTCCTTCAGAAACAGTGTTATATTTGTTGCAATCCCTATCTATCACTTAATTCAGAGAATTTCCATA
AAGTTTTAGGCTTTAGTATAATTATCACATTGTGAACGATGGGTCTGAGTCTCCTATGTCATTCTGTATCCATA
NGATGGTAATACGTGTT

>trans_s_950 AY337616|Gossypium barbadense Gbiaa-Re (iaa-re) mRNA, complete cds

AGACCAAATCAATACTCAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAGAAAGAAATCAAACCTTAAGGCGAAATTTGG
GAACAATGGCATTGAAAATGGGTAAACCTCGATGCGACGGAGCTCCGCCTTGGACCACCGGGCGTCGACG
ACAATAAATTACAAGAACAACCTCAATCTATCAGAATCAACAAAAGACCGTTACTATTACCAGAATCCAACCAA
AGTTCTTCGGGATCAAATGTATCCGTTTCTCTGATGCCACTCTTGACACTCCACCTCCCTCCAAGGCTCAGATT
GTGGGATGGCCACCGGTTCAATCATTTAGAAGAAATAGCCTTCAAGGGAAGAAGACGACGGTGCGGCGAC
AACGGCGGCGCTGGAGAGTAGTGGAATTTTGTGAAAGTAAGCATGGATGGAGCACCTTATTTGAGAAAAAT
TGATCTTAGTTTATACAAAGGATACCCTGAACTCCTCCAACTTTAGAAGACATGTTCAAATTCACCGTAGGTG
AATACTCTGAGAGAGAAGGCTATAAAGGATCTGAATACGTTCCACTTATGAAGATAAAGATGGTGATTGGA
TGTTGGTTGGAGATGTCCCATGGGAAATGTTTACGTCATCTTGCAAACGATTGAGAATCATGAAAGGATCCGA
AGCAAAGGGATTAGGATGTGTTGCATAAAGAAAAACAATATTTTAAGAGATCAGAACAAAATCAATGGAAGG
ATTGAGACAAGGAAAAAAAAATTGAAGGCTTGGGTTATCGAAGAAGAAAAAGAAGAACAGAATGTAGGATTG
TTATTATTAAGATTTTAATTGTTTTTGTCTCGAGGAGGATCTTTCTTCTCAAAGATGGAATTTTCTTTTTCTA
TGCAGCCAAACAAACAGAAAAAAGAAAAAACCATAATCGGATTTGGATTTGAAAAACAAAAAGATTGG
CAAAGAAATTTGGATGTTTTTGGGGGATCGTTTGATGATATGATTCTTGCTGCAATTTGATCATCTTTATGAGG
AAGATAATCACGAGTGTCTCATGGTGGGAATTTAATCCAATTACATATCATTATCTGCAAGGAGCAGAGAG
AATGATTTGTTTTTATTAGTATTATTATGATTAATGTAATTTTGATGCAAAAAAATTATATTAATTATATGA
TCATTAATTTGTTGATTA

>trans_s_951 NM_117676|Arabidopsis thaliana protein binding (AT4G15840) mRNA, complete cds

AGAGGATATGATATGGAATTGCAAAGCAGAATATCTGCCTGTATGGCAGGGCCAAGTGCCACTGGTATTCTT
GTCCAGATGCTTCAATCTCCAGATCATGCCCTTGGAATTGAGTGGGAGAATGGAAATAGTTTCGATTGTATTGG
ATATGAAAACCTCTTTAAGCCACTTCCCTCCTTTTCGCCTCGGGGTGCAATTTGAGGACGTTTCATAGGCTAAAT
GATGACCAAGTCAAGCATTACCTGAGTTTTTCTATGCTGGTCTTTATGGAAGGTTAGTGCTCAGGCGTTCAA
TGACGAAGACCCTCAAGGACGTCGAACTCTAGGATTATTTCTTCACAGGCGGAAGGCAGAAATATCTGATTCT
CTCAGAAAGGTCCATATGTTTGTTGATTCTCGTGAAAAAGTTACTGCACGATATCAGTTGATATGTCCATCAAA
GAGGGAGGTGATGGTGTGTTGGCAACTCCAAACAAACAGGAACTCTTTTACCAAAAGCTCCCAAGGGATGGGG
TTGGCGCACAGCCCTCTATTTCGACGAGCTTGACAGATTTTCTCAACATGGGGCTCTGAGGGTGGCTGCTGTT
GTGCAGCTTGTGTTGAGCAATGGTATGTATGTATTTATTTTGTATGGTACCCCCACAGTAGTTTTTTAGTTCT
CTGAGAGGTGCCCTAAAGTTGAGCCAGTCAATAGCACACGCATCTTTAAAAAAAATGCCTTTTGGATTG
GTCTGAAGGTTTGAGAAATGGAAATGTTCAACTTAGCCTTTAAGTTTAGATAATGAGACAGTTCAATAAATG
GTTCAAATTGGTCTTGTTGTTAATTTCTGTTGAGTGACACTAACGAAAAAGTGACATGCCATCCTCATTTTTG
AATTAGTTTGGCATCTTAGATGGCATTCTGAGACAGGAGAGAGCTTGTAAGGAGAGATAATAAGGAAGAAA
CCAAAAACCTCACAAGCAATATGTACAAAATTTGTAGAATACTTAAAAATCGACACTGGCACATCATCATCTAC
TTGTTGAGTTCCCTTTTTCATTAGTTTCATTGATGAAACAGTAATCCCAGAGACCAATTTGAATCATTCTCTTNC
ACTTCTGAGAGTTAAATGTCAATTTTGAAAGTTTGGGCAAATTTTCTCTAGGAACCAAAAGAATATATCTTTCC
CATANGTGTAT

>trans_s_952 DQ445483 | Cucumis melo UDP-glucose pyrophosphorylase mRNA, complete cds

AAGAAAGGGTCTGCTTAAAGCTTACTGAACAAAGCCTTGTTGCTGCTTCTTCTTCTTCTTCGCTGCTTCAGAAT
CTACCAGGTTTCTTCAATTCTATCGCAAAAATGTTTCTCACCAGGACCGAGTACGATAGGGGTGTCATACCTT
CTCACCTGAAGGTCGATTGTTCCAGGTTGAGTACGCGATTGAGGCTATTAAGCTGGGTTTCGACGGCTATTGGT
TTGAAAAACAAAGGAAGGCGTTGTGCTTGCCGTTGAGAAACGTATTACATCTCCACTACTGGAACCAAGTAGCG
TGGAAAAAATCATGGAAATTGATGAGCATATTGGATGTGCAATGAGTGGAATTAATTGCTGATGCTCACACACT
TGTTGAACATGCTCGAGTTGAGACCCAGAACCATCGGTTCTCATATGGTGAACCAATGACTGTGGAGTCTACA
ACACAAGCTCTTTGTGATCTAGCCCTAAGATTCGGTGAAGGCGATGAGGAGTCCATGTCTCGACCATTGAGG
TAGCTCTTCTTATTGCTGGACATGATGAGAAGGGGCCAAGCTTATTCTACACAGATCCATCTGGCACTTTCTGG
CAATGCAATGCTAAAGCTATCGGTTTCGGGTTCTGAAGGCGCAGATAGCTCTCTGCAAGAGCAATACAACAAG
GACCTAACTCTTCAAGAAGCTGAAACCATTGCACTTTCCATTCTGAAGCAAGTTATGGAAGAGAAGGTAAGTCTC
CCAGCAATGTTGATATTGCAAAGGTGTCTCCAACATACCATCTGTACACCCCTGCAGAGGTGGAGGCTGTCAT
TAGCCGGCTATGAGGGGGGTTCTTTGGAAGATCTTCTGGACTGCTGTTATGTTTCTTGTCACTGGCATGTATTT
GTATTCTTCTTTGTCTGGTGAGGGAGAATCTGAGGTTTTCGGCTACCTTCGAAGCTAATGGTGATGTGTTTACT
GATAGCTTACAAATTAATTATGGGACATTCTTGATGGGTTATTGCAAACCTTAGATGAACAATTTGATTAGTCTT
TTTACGAAAGCCTGAACATTATATGCTGAAGCGCCATTTTGTTCAAAACGTGAGAATATCTTGTGGCAAACAG
GAAATATTCGAGTTAGCAGCAAGCAGATTCATTGTTTCTATACTCTTCTTTGTTTTACATTTTTCTTTTAACGT
GACTCTTAA

>trans_s_953 XM_002869618 | Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ATATGCGAAGGCATGGAAGCCATGTGCAATCAAGGGCCGCACCTATTATTAATGGGAAAAAGGTATGGAGCC
GGAAGCCAAAGCCAGAAAGAGATGGAGATCGTTTCCAGGCCAGGATACAGGAAGAGGCAACGACCCGGGC
AGAGGAAATTAAGAGCCATGAAGTTTTGATAGTTCTATTTAGTGGCATTAGGAAATTGCAATCAAGAGAGT
AAATATCCAGTTGGAACCCAGATGATTACCAGGACGATCATCAAACACCTAAGAAGATCAATAATCATTTGG
AGAAATTCATTAAGCCGGATTCAATTCAAACCTGCAACAAATCGGGTGATGATTAAGCTTTGGAGGCCAGTTAG
TCGTAACGGAACCAATATGCGATGCCAGATCAAAGTGAAATGGCGAGTCTGAAGCTGAAGTGACAACTGA

>trans_s_954 GQ865547|Prunus persica cultivar Loring DEAD-box RNA helicase-like protein
mRNA, complete cds

>trans_s_955 BT015805|Arabidopsis thaliana At4g35930 gene, complete cds

ATCCTGAACCTCTCTCGATTCCGAGGTTTTGTTTTGATTTAATTCATTTTCGTTTCCTTTCTTTGTTTTGATTTTGT
TCCATTTTCGATTCTTGCTCCGTTTCTTGTTGTTTTCGATTTGTAATCACTTCTCGTCTCGAGGGGATTTGGGT
GTATTTTTTTTTTAACTGTTTTGAGGTGGGGTTGTATTTTTTTTTTCTTTGTTCTTCAATGTTCAAGAAGTTATT
TCTCTTGGGGTTTAAAGTTTCTTCGGTGTTAATGAAATGGGAAGTGTTTGAATTTATACGGCAGGTTCTGT
TGATGGGATAGTTTTAATTATTGATGTTGAGGGTTTATTGGAGGAGTAGAAGGAAGGCGTTTGTGTTGTGGTTG
CTGTAAATTGGGGAAATCAAGGAAGGGATGGGGAAGGTGTTACGAATGATGGGGAGCCGAAGAAATTGAA
GAGGAGAAGAAGGTCGAAGGGTTCTGGTGGGAAGTATTTGAAGCCGGGTGCTTTGGCGCAGCTCAGGTGTA
GCAAGGGCTCGGTTGCTAAATCTTGACTGATCTTGGGAGGAAGAGGGTGGCCGTGTTGGATGCTGGGAAG
GCGAAGAGGAATGGGGTGCTTGAGGATAAGGTTTCTGATAGAAGTCCTTTGATGTTGTCTCCTGTGAAATTG
GTGATGCATATAAGCCATATTGGTACTCCAAAACTCCTCGGGTTGAAGACTGTGAATCAGAGTCACGGCTGG
AATCTCTACCTATGGATCTATTGGTGAAAATACTTTGCCATTTACACCACGACCAACTGAGGGGCAGCTTTTCAT

GTCTCTCAACGAATCAGAAAGGCTGTTTTGCTGGCAAGGCAATTCCACTTCAATTACACAACCTCCAGATCGGTC
CAGGCAGGAGATGTTGAGGATAACCAACCCCTCGACCTACTGAACACTGGCCCTTTGTAAACAAGGGAGATGG
CAAAGGGTTTTTCATTGCCAAGCCCTCACACTCCAAAAGCACCAAGGCATGGTCCTCGTCCACCATCTCGTCTCA
AAGTTTCAGAGATGAGGCAGGTTGCTGCTGTTCTCTTTCAAGAATCAGCTTTTCTCCAAGATGCATGGTGCCA
TCTGTTATATCTAAACCTCTTGCAAATCTTTGGGCCTCAACCGGGTCTGTTTTACGAGGACGAGTTATGCCCA
GCTGTTGC

>trans_s_956 NM_001054050|Oryza sativa Japonica Group Os02g0634800 (Os02g0634800)
mRNA, complete cds

ATTATTGGAGAATTGACTAATACAAAAATAAGAAAAGAAAAAAAAAAGATATAAAAAATATTTCAATTCCCAAG
ATTCATCATCACGAGAAGCTACGAATTACGGAAGACGGCCGGTGTTGCTGATACGAATACAAAAGACCGCA
AAGTACGTTCCATAGATATCATCTCCGATTAAGTCTTTGGCGCGTTTCCCCCTTCCAGCATCTCCGAGCTGTCT
CCAGCTCGTTTCTGGACGAAAAATCGATCTTATTGTTGATTAGGCTTTTCTTTTGTACCGGTTGCAGTTTGTGCG
CCGGTAATTTTGCTGGTCCGAGAATTCTAGGCTTGAAACCGCGTGTTAATCTTGAGAATCTATAATGCAGG
CCTCAAGAGCAAGGTTGTTCAAGGAGTACAAAGAGGTTCAAAGAGAAAAGGTAGCAGATCCAGATATTCAGT
TGGTTTGTGATGACTCCAATATTTTAAATGGACAGCCCTGATCAAGGGACCGTCAGAGACTCCTTTGAAGGT
GGTGTCTTCCAGCTTGCTTCGCCGTACCTGAACAATACCCTTTGCAACCGCCTCAAGTGCGGTTCTTAACGAA
AATTTTCCACCCGAATGTTCATTTTAAGACGGGTGAGATCTGTCTAGATATATTGAAGAATGCATGGAGCCCA
GCATGGACTCTGCAATCTGTTTGACAGGGCTATAATTGCTTTGATGGCTCATCCCGAACCTGATAGCCCACTAAA
CTGTGATTCTGGAAACCTTCTCGTTCGGGGGATGTCCGAGGATATCAATCGATGGCAAGGATGTACACAAG
GCTTGCTGCCATGCCCAAAAAGGGGTGATGTTCCGTTGCTCGGTTTCTCTTTGCCAACCATTGAATTTGTGCT
TCCTGCTGTCAAGAAGAAGATTGCAGAAAGTGCTATTGGTCACACCCACAAATTTGATAAAATCCAGACATCT
TATGTAAAGTAGTAAAGCACATTCCATCTTATGTGTGTTTACTGTTATTTTCTGTTCCTAGATGGTCATAATAT
GTTCTATGTATTGATAGTTCTGTCTTCAATATAAGAAATCAATACTTATTTAGATTTCTATTTCCATTTTGATGGA
TCGTTTTTTTTTTAATTAAAAAAATGACGTTCAAATGTATTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_957 EF202176|Cucumis sativus aquaporin mRNA, complete cds

ATTGTCTTCACCTACTGAAAAACACACAGTATCCTAAAAGGAAGAAGAAATCATGGAGGGAAAGGACGAGGA
TGTCCGATTGGGAGCCAATAAGTTCACCGAGAGGCAGCCATTGGGACGGCGGCAGAGCCAAGACGATG
CCAAGGACTACAAAGAGCCACCACCGGCTCCTCTCTTCGAGCCAGAGGAGCTCACTTCATGGTCTTTTTACAG
AGCAGGAATCGCCGAGTTTTTCGCTACTTTTCTTTTACATACCGTTTTGACTGTCATGGGTGTGTCGCCG
GTCCAAGGAAGCGGATGGTAATACCTGTAAGACAGTCGGGATTCAGGGGATCGCTTGGGCTTTCGGTGGTAT
GATTTTGTCTCTGTTTACTGTACTGCTGGAATCTCCGGTGGCCACATTAACCCAGCGGTCACTTTTGGGTGTT
CCTGGCAAGGAAATTGTCGTTGACTAGGGCGATTTTCTACATGGTCATGCAATGCCTTGGTGCTATCTGCGGC
GCGGGAGTGTTGAAGGGGTTCACCCAAGCCCTACGAAAGGCTCGGGGGTGGAGCTAACGTTGTGAGCGA
CGGTTACTCCAAAGGGGATGGCCTTGCGCTGAGATCGTGGGTACTTTCATTCTGTTTACACCGTCTTCTCCG
CCTGATGCTAAACGTAGCGCCAGAGACTCACACGTTCCGATATTGGCGCCGCTACCAATTGGGTTTGCAGT
GTTCTTAGTCCACTTGCGACAATTCCGATCACCGGCACCGGCATCAACCCAGCTCGGAGTTTGGGAGCAGCC
ATCATCTTCAACAAGGACAAAGCGTGGGATGATCATTGGATATTCTGGGTTGGACCATTTCATCGGAGCAGCAT
TGGCAGCTTTATACCATCAAGTTGTGATTAGAGCCATTCTTTCAAGTCCAAGTGAACATTATTCATCATCGTTA
ATAAAAAGATTAAAACCCAAATTCCTAAATTTGAAATTAGGCCTAGGTTTTAATTTAAATCTCTCTCCATGCAA
AATGCTTATTATATTATTGCAACTTTTTTTGTTTTGGCATCTTTTGTATCCAATGAAGTGTTAATTTAATGAATTA

AGTGTTGATAGATTTGTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_958 AF385724|Arabidopsis thaliana At1g13990/F16A14.28 mRNA, complete cds

AAGGTACAAGACACGGAAGGGTTAAGGGTGAAGCTCATCCCCAAATTTCCCTTCATTACGCCACCAGCTCTC
CGATTACATCCCCTTTCTCAGACTCCATTTTCACGTAATTAACACAATTCAGTACGGACTCCAGTTTCAAATC
AGCTCCTCCAATGGATTCCCTCTCATCCGTCTCACCTTCCCTCGTTCTCCCTTCCAGAAACCCTCTCTGCTCTCGC
CGCCACCGAATCGCCGTCTCTTTGGGGACCTCCGGTACCCTCTCCCTCGTGTTTCGCGTCTTGTTCGGTCTCGA
TCGACGAAATTGCGGGAAATTTCTGTGGAGTGGGCGGTGCCGGCGCTAACCAAGGCGACAGCGACGCTGA
AGATGATATGGAGCGGGCACTTAGCTTAGATGGAAATATTCCTGGTACTTGAATGAGTTTGTGAAGCGTGTT
TCTTCTCGTGCTTATGATATGAGAAGGCATCTTCATCAGACGTTTGATAGCAGCAGTTATGACGTGTTGGAAG
CCAATCCGTGGAGAGAAAAGTTCGAAACCTGTATACGTACTAACACACAACGAGAACCAATATGCACAATGA
AAACTCGGAGAAATAGGAGTGAGGTAGAAAGGGAAGTGGATTGTTGTTCTCTAAAGGTGGGAAATGGAGG
CCTGAAATCAGAAAAACAGTCCAAAACAGGAATCAAATTTAGATGCTTGGAAGATATTAGGGACGGA
GTACTTGTGTTTGAAGATGAAAATGAAGCTGCAAGATATTGTGACCTGTTGCAAGGTGGAGGCAAAGGTTGT
GAAGGTGATTTGAGATTGAAGCCTCCTCGGTGTTTGATCTCTGCAAGAAGATGAGGGCTCTTGCTGTCCTAT
TCCGAAGAGGGAGGACACCTCCTTGCCTCAAAGCCTCGAGCTTAACCTCAAAGCTCGTAAACGATCACTTGA
AGACCAGGACGAGTTGATATGAACATCGTATTTGCACAGGAAACATGGAATAATTGTGACATGAAATGCTAA
TGGCAATCATACAGAAAAATGCAATGGTATACATACATATTCTTGGTGTAATATAAATTGATTCTCTAATGA
TATTGTTCAAACAGTGTCTACAAGATAAAGTAGAAAGATTTAGAGCGCGGAAGGCTATTTTCTCCTTGATAA
ATCTGCTGTCTATGAT

>trans_s_959 XM_002298582|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AACAAACAACCAATCAAATCAGAATCTCCCCTTTTCTCTCTCCCAACAACCTTAAACCAATATCATATTGTTTT
TCCAATGGAGTGGAGTTCCAGAGGTGTCCAAATTTTCATCCATTGCATTTTCCGTTTCAATTAGTGCCCATTTTT
AATTAATAATTTTGCTTTTTTGAACTTTTTCTTTGAACCCAAAAACAAATCACCTCTCTCTCACTTGCTTCCTTCC
TAAAAGTAGGCTTTGAAATTGTATTTGTATTTGCACTTCAACTCTTCTGTGTGCTCTTCAAGTTATACTGTTCTT
CTGGCACCATTATTAGTACCACCTTCACCTCCTCTCTTGCCTCTCATTCTTCTCTTTGCTTTAATGGCCTCCTCTT
CCCTTCATTTCCATCTCTCTTTACACCTTTTCTTCTATTTTTTTTCTTCTCTCCTTCTTCTTCCCCCACTTCCAT
TCTTAATCCCTACCACCTCTCACGCTTCGGTCTTTGATTTTCATCTTCGTTTTCAGAATACCCTTTTGCCCATTTT
TTCTCGTATTCCGTTTTGCTTGACTTTTCTGGTTTCTCAATCCGAGCAATGGAAGTTGTCTTGTGTGAGCAAGA
GATATTTAACTCTTGTAAGAGTGGTGAACATATAGGATTAGGAAAGAAATCGGATACCAAGAGTCATCTGT
TTTCATGTTAGCAAGTGGGAGAGCAGCTGGATGATGTTTGATCGGACTTTTCAGTCGTGTCTGAGGCTTCTT
GTCCTACCATCGGATACTTGCTTTTTGGATGCAGATAAGGAATCACTTTGTGCAGGCACAGATCTTATTGTTAC
TGGTCGAGAACTTACAGGAGGTGCCATTTGGAGGTATCAGCTGGTTGAGAACAAATGGACCAAAGGCCCTTC
TATGATCAGTCCAAGGTGTTTATTTGCATCTGCCTCTTGTGGTCTGATGCATTTGTTGCAGGAGGGATTGCTC
TAGAGTTCAGCACGGAAGGTGCTTTTGGTATGTGGATGGAATATGGACAACTGTCTTGAACACTGTAGAGA
AGTATAGTCCTGAAAGTTCATCATGGGAGCCTCTCCGAATATGCACCGGTCGAGGAAAAAGTGCTCGGGCT
GCTTCATGGATAATAAGTTCTATGTCATTGGAGGAAGAGACAAAGATGGAAACCATCTCAC

>trans_s_960 AF435969|Amorpha fruticosa UDP-glucose pyrophosphorylase (ugp) mRNA,
complete cds

CTCTCGATGTACTATTATCAAAGGGTAAGGAGTTTGCTCTCGTTGTTGGCTCAGATAGTGTGGCCGCTGTTATT
GACCCACAAATCTTAAATTATTTGATCCACAATAAGATCGAATTTTGCATGGAGGTAACACCTACAGCTGCATT

GGAATCAAGTAGCAGCTCTAATTCAACTCCAGAGAGGTGTCAGCTTGCGGATATTGCTTTAGATTCAAGACAG
CCAATGGACAAATACAAATTTTCTGATACAAGAACTTGTGGCTGAATTTGACTGCCGTTAAGAGACTAGTGG
ATACAAATACACTAAAGATTGGGAACTCATTTTCAGAGGTGCGAAGCAGCGATCAAATGCTCAGGCAAAATAC
TGCAGTAGGTTCAATGATTAAGGTGTTTGATCGAGCTGTTGGTATTAATGTCCACATTCTCGTTCACTACAAC
TGAGTTCAACTTCGGATTACTTCTTTTACAATCAGACCTATACACATCTAATAAAGGCTTAGTAGTTCGAAATG
CAGCTAGAGCTAGTCCTGTAAATCCATCAATTGACTTAGGTCCTGAATTTGAAAAGATTAATGATTTCAAAAAT
CGATTCAAGTCAATCCCCAGCATTGTTGAGCTGGATAGCTTGACAGTAAGAGGAGACGTATGTTTTGGATTGG
GCGTCACTCTCAAGGGGAAAGTTAGTATTGTCGCAAAACCTGGGGTGAAGTTGGAAATCCCAGATGGTGCAG
TGCTTGAGAATCAGGAGATTAACGATCCCGCAGATATTAACAATGAGATCATATCTTGTCAAAGCATGAAGC
TTTACCAGAACAATGTTCTTTCCTCATATACAACTGAGTTTTGGAGCTCTTCCCTTCTCCAGAAATTTTCTTCAA
TCTCTCATTTTCAAGAATTGGATATAGGAAGTCATGGCAGAGCAGCGAACGTATTCTTTCATTAGTGCT
AAACCAAAAAAATTCAAAACACATTAGCCTAGCCATGCCTCTTTGTAACCTCATGAGTGCAATAATTTAGCCTC
GACCCGATTTATGCTTGTTGTCACATAAGAGATGATGGCTCATTATAAAACGGATATCGACTTGTTTCATCATT
CAGTAAGTTGCTGAGATCGTTATATAGATTAAACATAACGTTTTTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_961 NM_114583|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding (AT3G47160)
mRNA, complete cds

GCGTTTTGCTTAGAGAGAAATTCCTACTTGAAAAATTTCCAGATTTTCCATTACGGAAAAATTTTCGTTTCTT
CCTTTTTCCAATTTGATGATGATTATGAAGATAATCAGTAGTGATTCTGCTCGAGATTTTGTCTACTTGATTC
ATATTCGTTTCTTTGTTTTCTTGATCGAACTCTGTTTTTTCCGGGAAAATCTACCGCCATGGGAAAGCTTTT
CTTCAAGGATTCGCTTAAAGCACTTGAAGCCGATGTCCAGCATGCCAATACGCTTGCTTTAGACTGTCCAAGA
GAGAGTGATGGAGCTTGTTCAAATGAGATTATCATACAGCCCTGCTGCTCCTTTGTTTCTTTTCTTGTTCAA
TGGACTGATTGTTACCTTGCTGGTGCATTGGGGTTGTTAAGAATCCTTCTCTATGTGACTTATCCCGATGGAAA
GACCACCATGTCAATTTATGAGAGAAAAGCAAGCATTAAAGAATTTTATGTGGTAATCTTCCCTTCTCTTCTTCA
ACTTCAAAAAGGCATCACAGAATTGGAAGATAGGAAGCAAAAAGAGGTCTGCAATGCCAGGTACAGCAGAA
GGGATGAATTTGGAAGGGGGGAACTGTCCGAAATCGACATAGAAAGAGAGAAGGAGTGTTGGAATTTGTATG
GAGTTCAACGGCATGGTTGTTTTGCCCACTGCAACCATTCTCTGTGCTTGAAGTGTTATCGAGACTGGCGCG
GTCGTTCTCAATCGTGTCCTTCTGTCTGATAGCCTGAAGAGAGTCAACTCTGGCGACCTTTGGATCTTCACA
GACAAGAGTGAAATGATTGACCTAAATTCATTTTGCATGACAACTGCAAGAGACTATTTGCATACATCGATA
AATTGCCATTGGTTGTTCTGATCCAGTGTTTCTTCTATTGATTCTCATATTAGGTAAGAGAATCTGTGAGTAT
TAGTGTTCTTATCCAAAAGTTATATGTGAGTATTATTAGGTGAACCTTGTGTATATATAATTATAGGTTGA
GGAGATAAGTTAGGAAATGTAAAAAGGGGTTCTTCTCTGGCTAATGGCTATAGGATGATGCTTTGCTAATTTT
CAGTTTCTTAGCTTATCAAAGTGAATGATTTTTGTTACCTTTCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_962 XM_002310674|Populus trichocarpa 2-oxoglutarate-dependent dioxygenase
(2OGox15), mRNA

AATTCTGAATAATTTGTATAGAAAAATTTGAGTTCTAACCTTCCGGGTGAGGAGGTTGAGCACCAACGGAT
GTCTGTATAACTCCGACCCCTGTCTGGACGAAGCAGCCTTGCCGTCTTTACCGTCCATCTGTTCTATAAAGCTAT
CTACGAACCTCAAGCAAAATCATCCTATTTCTCTTTCATATTTCTTCAATTCAACACTAAATCATCAATCCTCACT
CATGGCTACCGACTTCACATCCTTTCCCGTAATCGATGTTGGCCCTCTTATGGAAAAGAAAGATGATCCCCAAA
TGGGAGAGGATGCAAATGTAATTGAAGTTGTAAAGCAATTAGACCAAGCTTGTAGAGAGACTGGCTTCTTTTA
TGCGAAGGGCCATGGTATTCTGAATCCCTCCTTAGTGAGGTAAAGAAAGTGACGCGCATGTTTTTCCAACCTT

CCTTATGAAGAAAAAATTAAGATCAAGTTGACTCCAGACAGTGGATACAGAGGATATCAAAGAGTAGGGGAA
AACATAACCAAAGGAGTTCCAGATATGCATGAAGCTATAGACTGCTATAGGGAATTTAAACCAGGAATGTATG
GAACTCTTGGCAAACTATGGAAGGTAGTAACCAATGGCCACTTGATCCGCCAACTTCAAGCAACTGATGGA
AGAATATATCAACCTCTGCACAGATGTTTCAAGAAATATTATGCGCGGAATCGCTTTAGCATTGGGTGGATCC
CCATATGAATTTGAGGGAGATAGAGCTGGAAATTCGTTTTGGGTTATGCGTCTTATTGGTTATCCTGGAATCTC
CTCTTTGAAGGCCTCTGATGTCCCTGAAAATGACATTGGATGTGGGGCTCACACCGACTATGGTTTGTGACAT
TGGTTAATCAGGACGATGATGTTACTGCACTTCAGGTGAGAACTTATCTGGAGAATGGATATCAGCTCCACC
AATTCCTGGAAGTTTTGTCTGTAACATTGGTGACATGCTCAAGATCTACTCGAATGGGCTGTACGAGTCGACTT
TACATCGAGTTATCAACAAATCTTTGAAATATAGAGTTTGTGTAGCATATTTCTATGAGACAAATTTTGACACA
GCTGTAGAGCCGTTGGAAATTTGCAAGAATAAACAGGAGGAGAATCAAATTCAGAGAGCTGTTTATTGG
GAACATCTG

>trans_s_963 XM_002868243|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

ATTGCCCCAGAAGTTCTGCTGAAGAAAGGATATGGAATGGAATGTGATTGGTGGTCCCTTGGTGCCATCATGT
ACGAAATGCTTGTGGGATTTCCACCATTTTACTCAGATGAGCCAATGTCTACTTGTGCGGAAGATAGTTAATTGG
AGAACTCATTTGAAATTTCCAGAAGAAGCAAACTCTCTCCAGAAGCCAAGGATCTAATTAGTAAACTCTTATG
CAATGTTGAGCAAAGGCTTGGGACCAAGGGTGCAGATGAAATAAAGGCACACCCGTGGTTCAAGGGCATTG
AGTGGGATAAGTTGTATCAAATGAAAGCTGCATTTATTCTGAGGTCAATGATGAATTGGATACTCAAAATTTT
GAGAAGTTTGAAGAGACTGAAAACGCAATTCAACTTCATCAAAATCAGGTCCATGGAGAAAGATGTTGTCAT
CGAAGGATATCAATTTTGTAGGTTATACGTACAAAACTTTGAAATCATTGATGATAATCAATTGCCCGGAATA
GCTGAATTGAAGAAGAAGAGCGCGAAATCTAAAGACCTTCCATCAAATCACTCTTTGATAACGAATCCGCAA
TGGCTAATCAACCCGTTCAAGGAAGCTTTCTGAAACTCTTGCCTCCCCAGCTAGAAGTCCCCGAGAAACCAAT
GAACACAAATGAGAAGCATTATGATTTTAGCCCCGTTGTGCGAGTTACTTCCAAAGACCACAATCATCAATAC
TTTTTGGTGTGAGTACCCTTTTGTAACTGCTAGTTTGGATATTTGGGTGAATTTTGGAGTGAAGAAGGGGT
TTATTAGAGGGCAAAGGCCTAATTTGTTGGGAGTGATTAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG
TGGATCATCTGTTTCCATTGGTCTCTGTAAATATTTCCATGGAGGTATAGAGTTTCTTCCAACTCAAAAAC
TGGTGACTTCTTATTCTTTCTTTCTTCTTATTTATTTTCCAACCCCTCTTTGTTGCAAGTTGCAAAGTTTCTTT
GTTCAATTCCTAGCATTACTGTTCTGTAAATTAACCTTACTTTGTTGTTGATAGTTTGTATCACTTTACATATGAT
GGAAATTTTAGATTATATTAACACATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_964 NM_124930|Arabidopsis thaliana SVL1 (SHV3-LIKE 1); glycerophosphodiester
phosphodiesterase/ phosphoric diester hydrolase (SVL1) mRNA, complete cds

TCAGACAGCCGTTAAAGTATTGATTCAATCTCCAGATAGCGCTGTTCTAATGAAATTTAAACAGGAAAATAAA
AAATACGAGCTTGTTTACAAAGTTGACCCACCAATTAGTGATGTGCTCAATACAACCTGTTGAGGACATTAAGA
GTTTTGCAGACTCCGTAACCTATCACCAAGAACTCCGTCTTCCCTGTAAATCAGTTCTTTCTCACTGGAGCTACAA
ATGTTGTGAAGAAGCTGAAAGCACTCAATCTCTGTATATGTGGACACCTTCAGCAATGAATTTGTCTCTCAA
GCATGGGATTTCTTCTCAGATGCAACAGTAGAGATCAACTCATTTGTTTTAGGAGCCGAAATTGATGGAGTCA
TCACTGACTTTCCAAAGACATCTGCTAGATATAAAAAGAACCGATGCTTAGCAATGAAAGAAACACCTAATTA
CATGAGCCCTGTCCAGCCTGGTAGCTTGTTGCAACTTGTTACTCCAACTACTTGCCTCCAAAAACACCTCCGA
GCCCCGTTCTAGATGACAAAGATGTAGCTGAGCCACCATTGCCTCCGTTTCAGCCAAACCCCTGCACCTGCT
GGGGAAGGTGGCTCGACAGCAGCACCTCCAATTCTAAACCCAACGGACAACCTAAGCTTGGAGCTGGAGCA
GGCTTCTTGCTCTTGAACCTTGCCATACTTTCCATTGCTCTACTTCCATTCTGAGAACGATAGCAGCATGTGCTC
GGATTCTTGCTCGTTTCGACTGTAAATTTATATCTTTACTGTATTCTAGAACCGAGCTTTGTTAGTTCAAATTCT

TTTTTCGTGATTCGGTATTTAATTCTTTGCACTTTCTGCCTGTAGGTATCTTTAGTTTCTTCCCATGCTAAAAA
ACATCAATTCTTGAGAGGGTGCATTCATGATGATGGATTGATTATATTTGTAACCAATCTTTCATATTTTGCTC
TTTTTGCCTTTGTAACTTGTAAGTTATGATTGTGATTATTTTCTTGTGTATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_965 DQ535894|Pisum sativum Tic21 mRNA, complete cds

ACTGTGGGCTCTCTGCCTGCAGCTCTATCAAAATTGCATTGATCCTCAATCATGCAGTCCCTACTCTCCCCGGT
GGCTCGCACTGGTCCCTTCCCGCCACC GCCGAGTTTATTCATCGGATTTTACCTCAGCCGCTTGCATCGCC
GGCCCTTCTCTGTCCGCACTCCTTCAATTCCCTCCCTCAATTTAGTGCCATTTCATCATCATCATCATCATC
TTCTTCTTCTTCTTCTCGTTGTTGCTTTTGAAGACTTTTGGTACTCTGGAGCATAGAAGAGGACAGCTTTGCTC
GGAAACACGCGCTTCTCTAGTCCCATTTCCTCAACTGTTCCCCCAATGATGAGGCTGAAAAGGCAAACTG
GCTCAGGTGGCAAAGAGATTAGAGAAGACATCGAGGTATTTCAAGAGGTTGGGCAGTCTTGGATTTTGGGGA
CAGTTGGTGTGCACAATTGTTGCTGCTGTTATTCTTTCATTCTCTGTTGTTATCACTGGGAAAATTGCATCACCT
GCCACCTTTTATGCTACTGCTGGTGGCATTGTGGCAGCTTTCATTCTGTATTTTGGTCATTTGGTTACATTCGG
CTTTCTGATAAACTTCAACGTACTGCAAATCAACCCTCCAAGGCTCCTCCTCGAGCCGATGTTGTGAATAGCCT
AAGAAATGGAATAGTAGTAACTTGTTAGGCATGGGTGCTGCCATTCTGGGGATGCAAGCAACGGTGGGATT
GTTAGTTGCTAAGGCTTTACCTCCTCAGCAATTCCATATTACCAGGCTGCCTCCCCTGGAAATAGCCCTGTTCT
TGCTTTGGATGTATTCTAGTACAGGCTTCTGCAAACACTATTCTCTCTCATTTTCTGGGGCTCGTTTTCTCCTTA
GAGCTACTGCGCTCAGTGACATTACCTGCTACGGATAGTATTCTATACCCCGAATAGCATAACCTCCACCATC
ATCCTTCTAGCCAGTTAATGCAGCAATCAATTCGGCATCAGAGGTGACATGATATGAATAGCTCGCGGGTTTA
GTATTCATTTTCAAGCGTAATCAGAGGCATTTGAATGTTTGTTCGCTCATCCCCTGGGGTACTCTTGTATGAG
ACTTGGTCCTTGAAGATGTTTTGCTGCGGGTAGCTAAAAGGAAGTTAATGTATTTGTATTAGATGAC

>trans_s_966 NM_114727|Arabidopsis thaliana GAMMA CAL2 (GAMMA CARBONIC ANHYDRASE-
LIKE 2); transferase (GAMMA CAL2) mRNA, complete cds

ACGAGCTGAATCACAGACCACGCTCGCTCTCTGCTCTTCCCATGGCAGCTCTAGCTCGTTTCTCCCGCAAGGCT
ATTGCCTCAGCGTTGCCACCAATCAACTCCGCCGTGCTTCTCGACGGAAGTGTCGAAAACGATCACGCCTTC
ACCGGATCGAGTCAAGTGGGACTATAGAGGTCAAAGACAGATAATCCCGCTCGGTCAGTGGCTCCCCAAAT
CGCCGTCGACGCCTATGTTGCGCCTAATGTTGTCTTGCCGGACAGGTTAAAGTCTGCGACGGGGCCTCTGTT
TGGGCCGTTCCGTTCTCCGCGGCGATCTCAACAAGATTACAATCGGGTTTTGCTCTAATGTGCAGGAACGGT
GCGTCCTTCATGCTGCTTGGTCCTCCCCAACAGGACTGCCGGCAGAGACATCTATAGAGAGATTGTCACAAT
TGGTGCTTATAGTCTGTTGCGGTCTGCACAATTGAGCCAGAATGCATTATCGGGCAGCATTCCATCCTCATGG
AAGGTTCCCTGGTTGAGACCACTCTATTCTTGAAGCTGGGTCCGTGGTTCCCCCAGGAAGGCGAATTCCAC
TGGTGAACTTTGGGCAGGAAACCCAGCAAGGTTTGTGAGAACGTTGACCTATGAAGAGAAATCGGAAATTCC
TAACTTGCTGTTGCAATTAATGACCTAAGCAAGGATCATTTCTCAGAGTTTCTCCTTACTCAACAGCATACTT
GGAGGTTGAGAAATTCAAGAAGTCCTTGGGTATAACCATATGATGCAGCCTGTCTTCTTATCTTTGCATTTTGT
TTGTTGAAGAAAATAAAATATCTCCAAAAGATAAACCAGCTTTCAGATTCTTTCATTGCGTTGTTTTGCTGGC
ATCGAGTTAGGATCAAATGAATTTTCTTAGATTATAAGGTTGATGTTTATGTTATCACCTGGATTCTCGTTGGT
GGGTAGTTAAAATCCGCCAATGACTTGTAATCTCCCGTTGTATGTTTTTACATAACATTTATATGTTAGTTCCC
AATGATGCATCTGGGTTTTACATTTGCCATTTCCAGGTACTGTTCAAACCTGGTTAAGAACTGACTCTGTAAAT
GTTTCAAGGAATGTCTGACCACACGACAACGCCTTCCCTTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_967 NM_001063402|Oryza sativa Japonica Group Os06g0158600 (Os06g0158600)
mRNA, complete cds

AACCTCCATCATCGTCCTCTACTCTCACGTGCTCCACCACACGTCTTCTTCTTCTTCACTCCGTCTCTTCCTC
CCTTTCAGCAGCACATTGTCGCCGCCCTCTCTCCCGTTCAGTGCTACTGCCGCCGTTTCCGTTGCCGTCTTTT
CTCTGCTCGTGTCTGCCAGCCTCTCTCGAACAGCAGATAGTGAGCAAGTCCTTCTAAGCTTTAAAGCATTG
AAATTGCACCCGAGTAAGCGAGAGAATTTAGACAGCCATTTGGTGGCACAACTTCAATTTTTTTCTTTCAATC
AACGAGATGGGGAGGGCCAAGAAAGGACCCAAGTTTGAGTCATGAAGAAGATGGTCACCTCTAAAGCCATT
AAAACTACAAGCAAGAGGTCTTGAATCCAAAAAGAAAAGATCTTACGAAAGAAAACCTCCCAAGAAATGTT
CCAAATGTTCTTCGGCACTTTTCTTCAAGCACAACTGCATTGGGGCCACCTTATCGGGTCTTGGTGGATAC
AAATTTTCATCAATTTCTCCATTCAAAACAAATCGGACTTGGAGAAGGGAATGATGGACTGTCTATATGCTAAAT
GTACTCCTTGATAACAGACTGCGTGATGGCTGAGCTTGAGCGATTAGGTCAGAAGTATCGTGTTGCTCTTAG
AATAGCTAAGGACCCACGATTTGAGAGACTACCCTGTACTCATAAAGGAACCTATGCTGACGATTGCCTTGTT
GAAAGGGTGACTCAGCATAAGTGTTATATCGTTGCTACTTGTGATAGAGATTTGAAGCGTAGGATTCGCAAGA
TTCCTGGCGTACCCATCATGTATATAACTCGACATCAGTATTCGATTGAGCGGTTGCCTGAGGCAACAATTGGA
GGAGCTCCAAGGATGTAATTGTGGGACTTCACAGTGATGGACAAAAAAAAAATTCTTGAAGAGGTTTTTCCCC
TGACCTCCAACCAACTTTTCCCAAGAGAAAATTAAATTAAAAGAAAATATTAGTAGGCATTGGTATCATGTAAA
TTTCTTTGGCTTTAGGATCTGTTTCTTCTGTTGTCCCTCATTTCTACAATTATTTGATTTTCTTTTACGTATAG
TTTATGTACCCTCTAAAGAAGAAAAAAAAAATGCTTCTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_968 NM_180449|Arabidopsis thaliana zinc finger (CCCH-type/C3HC4-type RING finger)
family protein (AT5G06420) mRNA, complete cds

AGTCAGCGTCTTCACTTTTCTTTACTTCTCTCTACCCGCCGGCTAGACGAAACATATCCCCGCCGACGCCCAC
CTGACAAGTAGTCCGGCGGCGGCACGGTTGATAGATCCTCGAACGACCACGGGGAGACCCAGAGTGGCAC
GACTTCTTGATCTGCATTGATCAGATCTGTTGGCCGGGACTCCGAGCTGCAACCCTGCACCGACGCCATTCT
ACCATACGAGGGCTTGAAAGATAAGTTGATTAACTTGTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTCCATTGTAGCATCTATT
AATTAATCTAGCTGGTCTTACTCTCGTATACAATGACAGATACAGGTGATACCCAGCCGTCTGAACAAGTCTGT
AGCTTCTTCAGAAAACCCACCAAAACAAAACATCAGGAAGCGGACGGTTGATGAAGACGAAGAGGAGGAC
TCTAAAGCTGAGACTTCGTTTCTGCTAAACCAGAAGAAAGCCCCCAAGACTGAAAGCAAGCTTTATTTTTCTTC
TGGACCTTCTAAAAATTCATTGTCTAATGAATCCAATGTGGAACCTAATAAACCAATTTTCCAATTTGAGTCTTC
AAAGGAAATTCAAGTTCACCATGATAGCAGAGCAACTGCAACCCTAGAAACAGAGACTGATTTCTCAAGAGAT
GCACGAGCCATCCGTGAGAGAGTTTTGAAGCAAGCTGAGGAGGCTTTGAAGGGGAAAGGCAAGAGCTCTGG
TGGTGAGAAGTTGTATAAAGGGGTCAATGCTTATGTTGATTACAAGGCTGGCTTCAGAAGGGAACATACAAT
TTCTAGTGAAAAAGCTGGTGGAGCACATGGGCCGCTTAGAGCTTCTGCTCACATAAGAGCATCAGCGAGATTT
GATTATCAGCCTGATATTTGCAAGGATTACAAGGAGACTGGTACTGTGGTTATGGAGATGCGTGCAAGTTTT
ATGCATGACCGAGGGGATTACAAGTCTGGGTGGCAGTTGGAGAAGGAATGGGAGGAAGTAGAGAAAGCAA
GAAAGAGAAAATTAGCTATGAAATCTGATGATGGGGATGAGGATTCTTCGGAACAAAGTGATGAAGATGAA
GAAGGTGCATTGCCCTTGCTTGTTTTATTGTGCGGAGCCTTTGTGGATCCTGTTGTGACAAAGTGCGGGCA
TTACTTCTGTGAGCA

>trans_s_969 XM_002298563|Populus trichocarpa lysine/histidine transporter, mRNA

ATTGGTGAAGAAAATGCATTTCAAGCCTAGTTTTTACTTCGATTTATTGCTCGTAACATATATGTTGCACTTAC
AATGTTCAATTGGCATTACCTTCCCTTTCTTTGGCGGTCTACTTGGAATCTTTGGAGGGTTTGCCTTTGCTCCTAC
AACATATTTTATCCCTGTGTTATATGGCTTCTCATGTACAAACCCAAAAAGTTTGGCTTATCTTGGTGCACTAA
TTGGATATGCATCATACTCGGCGTGCTTCTAACTGTCCTATCACCGATTGGTGGATTGAGAAATATCATAATTC

AAGCCAAGAACTACCATTCTACTCATAAATTGCCCTCCAGCTGCTCCAGAGTGAAATATGAATAAAGAAGCA
GATGATGCCTACTATACTGTTTCATAAGCATGTTTGTGACTGATAAAAATGTCATATTTAGTTGAAGATTAGAA
AGAATTTAAGAGTTCAAACTATCTTAGATAAGGATTTACACTGCCTATTTCTCTTCAATGTCTTTGCAAATA
CCAGTAATTCTCATGTTCCAATTTTTTATCTTCTTCCACAATCAATATAAAAAATTTTGCTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCGAAAATTTTTGGTTCCCGCCCC
CCCCGGGGGGGGCCCCGGGCCCCCTTTTCCCCCTTTGGGGGGGGCTTTTCCCCCCCCCCCCGGGCGGCTTTTTC
CCCCCGGGGCGGGGAAACCTGGGGTTTCCCATTTTATTCCCTTGGGGGCCCCCCCCCTTTTCCCCGGTGG
GGGAAAACCAAAGGCCCCCCCGTTCCCTTTCCCACTTTTGCCCCCGGAGGGGGAAGGGGGCCCCC
CCCGGTGCGGGCCCTTACGCGGGGGGGGGGGGGGGGGTCCCCCGGGGGGCCCCCTCCCTTTGCCGGCCC
CTTAGCCCCCTTTTTCTTTTTTCCCTTCTTTCCCCCCCCCTTCCCGGGTTTCCCTCCAGTTTAAATCGG
GGGGCCCCCTTTGGGGTCCCATTTTGGGGTTTCCGGCCCCTCGCCCCAAAACTTTGTTGGGGGGGGGG

>trans_s_970 XM_002320310|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ACGACGACGACGACACTCTTCCACTTTCACCACCACCGACCCTTCCCCTTCTCATTCTTTTTCTTTTCTTCTTCT
TCTTCACTCTCTTCCATTTCCAAACCTCCTTCCCCTTCTCTATGGCCGGTCTCTCTTCTCTACCTTCCCGA
GGACATTCTTCTCAACATCTTCTCAAGCTCGAAGACGATCCCCGCAACTGGGCTCGTTTAGCTTGTGTTTCCAC
CAAATTCTCTCCACAATCCGCAACATCTGCTGGAAAACCAAGTGTTCCAACGCCATCCCTTCTCTCGTTCCCGA
TCTTCTCGTCGGCGACTCTATTCTGCCGGTGGTTGGGCTTCCCTTCACAAGCTTGCTGTTTGTGCTGCTGGTCT
CGTCCATTCCGGTGTCTTCTCGAGAATTCTGATTTTGGGCTCGAGCGGGAAGTGGGTCCGGATGAAAATTAC
ATGAAATTGGGTATTCTCAACACTCCCAACCCGAATCGGACCCCCCTTCTTCTACGGCTTATTGTAGGTTAAT
TCTGATCTCTCTGCTTCTGCTTCTGCTTCTGATTGTGCTTGGTCTCTTACGACGATCTGTATTTGGACA
CTATGTATAATGATTCTGAAGCCCCAGATGTTCTCGACCCTCAAATTGGTCTACCAAAGTGGAGAAAGGGGT
TTTTATGGCGGATAGGGAATTTTGTGTTTCCAAGAGGAGGAAGATCTGTAGGTCTATGAGATCGCATTGGCA
TCTGGGGTTTGAATTTAAGCAGGGAACAAGGGAATAAGCTGCTTCGGAGTCGATTCGAGGTGATTCTCTTT
ACATTTGTGATTGGCCTGGATGTGTTTCATATTGAAGAGAAGCGAAATTACATGCTTTTTAGAGGGATTTTCAA
GAATTTCAAAGGTCTCATGTTTGGAGGACCATAAAAGATGGGAATAGGAACAAAATTGATCTGAATTGTGC
GTTTTGTTCTGTAAAGAGACTTGGGATCTGCATTCTGCCTTCTGTTTAAGGCGGGTTTTTGGTTATCATGATG
ACGGTGAGCCAGTTGTTTCGAGCTTATGTCTGTGAGAATGGCCATGTCTCTGGAGCTTGGACAGATCTGCCATT
GTACACTTGATTTTCGCTTCTGCTTACCTATCATTNCATTTCATTAAGAAACATTAGAA

>trans_s_971 AF251013|Tagetes erecta zeta desaturase mRNA, complete cds

GTGGGATCCTGTTGCCTATGCTCTTGGATTATTGATTGTGACGACATCAGTGCCCGCTGTATGCTTACTATCTT
CTCTTTGTCCGCTACTAAGACCGAGGCTTCTTTGTTACGCATGCTGAAAGGTTCTCCGGACGTTTTTTAAGTG
GGCCATAAGGCAGTATATCACGGACAGAGGGGGCAGATTCCATCTAAGGTGGGGTTGCAGGGAGGTACTT
TATGACAAATTCGAGATGGAGAACTTATATTGCAGGACTGGCGATGTCTAAGGCCACAAATAAGAAAGTT
GTGAAAGCTGATGCTTATGTAGCAGCATGTGATGTCCCTGGAATTAAGGTTGATTCTTCAATGGAGAG
AATGGGAGTTCTTTGATAATATTATAAGCTAATAGGAGTTCCTGTTGTCACCGTCCAACCTCGGTATAATGGA
TGGGTGACAGAATTGCAAGATCTAGAACGTTTCGAGGCAGTTAAGGCAAGCTGTGGGGTTGGATAATCTCCTT
TACACTCCAGACGCAGATTTCTCGTGCTTTCAGATCTAGCACTAACCTCTCCCGAGGATTATTACATTGAAGG
ACAGGGATCATTGCTTCAATGTGTCCTCACGCCCCGGGGATCCTTACATGCCATTGCTAAATGATGAGATTATAG
CAAGAGTTGCAAAACAGGTCTTGGATTTATTCCCCTCATCACAAGGTTTAGAAGTAATATGGTCATCTGTGGTC
AAGATTGGGCAGTCTCTATATCGCGAGGCACCTGGCAAAGATCCCTTTCGGCCAGATCAGAAAACCCCAATTA
AAAATCTTCTCTGCTGGGTCATACAAAAACAGGATTACATAGATAGCATGGAAGGAGCAACGTTGTCAGG

GAGGCAAGCTTCTGCATATATATGTGATTCTGGTGAGGAATTGATGATGCTAAGAGAGAAGATTGGTGACAT
TGAATCTGAAACTGCCAAATCGAGTGATGAGCTAAGTCTAGTTTAGCCCATGAGGATTCACTGTTTATGATGT
AAACAAAGAGGCATAGTGTAATAATCAAATCATAGTAAAATTATAATGCTAGGGCCAGCTATTTCTTTTGTAAAT
CCTGCGAACAGCTCTCTCCACCTCTAAATGAAATAGCCCATCTTGTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_972 NM_101350|Arabidopsis thaliana semialdehyde dehydrogenase family protein
(AT1G14810) mRNA, complete cds

ATATTGCAGTTTTATTTGGTATTCACTGGGTTTTACTGGCCGCCTCCTCAGCTCCATTGAAGCTTTTCTTTCTCT
CCGCAATGGCGGCTCTGTCATCTTCTTCCACCATCTCCTTCTTCTCTCCACTGCTTCTCCTCACCCTAAACC
AACCCGCTTCTCTAGACTTGTTGCTATGGCTTATCAGGAGAACGCTCCTTCTCTCGCCGTCGTCGGCGTCACCG
GCGCCGTCGGCCAAGAATTCCTCTCCGTCCTTCCGATCGCGATTTTCCTTATCGCTCCATCAAGATGCTGGCCT
CCAAGCGTTCTGCTGGAAAGTCCGTTGTTTTCCAAGGTGAAGAGCATGTTGTGCGAGGAGCTCACCGCGGATA
GCTTCGATGGTGTGGACATTGCTCTCTTAGCGCTGGAGGATCCATTAGCAAACACTTTGGACCGCTTGCTGTT
GAGAAGGGAACTATTGTTGTTGATAATAGCTCTGCGTTTGAATGGATGAGAATGTGCCTCTTGTTATTCCGG
AGGTTAATCCTGAAGCTATGAAAGGGATTAAGGTTGGAAATGGCAAGGGCGCTTTGATTGCTAATCCTAATTG
CTCAACTATCATCTGTTTGATGGCTGTTACTCCTCTGCATCGTCACGCTAAGGTGTTACGTATGGTTGTTAGTAC
ATATCAAGCAGCTAGTGGTGCTGGTGTGCAGCAATGGAAGAGCTTGTGCAACAACTCGTGAGGTTCTTGA
GGGAAAACCACTTGTAAATATATTTAGGGACCAGTATGCTTTCAATTTGTTCTCCCACAATGCATCTGTTCT
TTCAATGGATACAATGAAGAGGAAATGAAATTAGTAAAAGAAACCAGGAAAATATGGAGTGATGCAAATGT
TAAAGTTACTGCCACTTGATACGAGTTCCTGTCATGCGTGCACATGCCGAGAGTATAAATCTTCAATTTGAGA
ATCCCTTGATGAGAATGCAGCCAGAGAGATTCTGAAAAATTCTCCTGGAGTGGTCATCATTGACGACCGGAA
AGCCAACCACTTCTACGCCCTTGAAAGTATCAAAAAAGATGACATTGCAGTTGGAAGGATCAGACAGGAT
GTTTCACTTGATGGAAATAAAGGATTGGACATCTTCATCTGTGGAGATCAAATACGCAAGGGCGCAGCGCTTA
AT

>trans_s_973 NM_202970|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein
(AT4G37210) mRNA, complete cds

CAGTCAGTAAGAAGGATCAGGATGAAGAAGAACTGATGATAGTGATGCTGAGGACTTGGCAGATGCAGAT
GAAGATGAATCTGACCTTGATTTAGCTTGGAATGCTAGATGTTGCCAGAGCAATCGTGGAAGAAAGACTCA
GCTGACACTATGGAGAAAGTGGACATACTCTCAGCCTTGGCAGAAGTTGCATTAGAAAGAGAGGACATTGGA
ACTTCCCTCAGTGACTACCAGAAAGCGTTATCAATTTAGAAAGACTTGTTGAACCTGACAATCGACAGCTTGC
TGAATAAATTTCCGTGTATGCTTGTGTTTGGAGTTTGGTCTCAGCCGAGGAAGCCATTTTCATATTGCCAGA
AGGCAATATCAATTTGCAAGTCACGTGTGGTGGGCTCACTGACGAAGTAAAGAGTCTCATTGTACCAACGAC
AGCTTCGTCTACATCAGGGTCAGAACCAGAGATCCCACTATCCTCCAATGGCTCCCAGACTGACAACGAAAAT
GCTGCAACGGAGAAACAATCTGAGATTGAACTCTATCTGGGCTTTTGGTTGAGCTAGAAAAGAAGCTTGAA
GATCTTCAACAGCTGGCCTCAAACCAATGTCAATTCTCTCAGAGATCCTCGGTATTGGATCAGCAAAGCCAAA
TATCGAAAAGATCACACCTCCAGTTCCATCAGTGTTCAACTCCTCACAAATGGGTTTCACTAACAGCAATGGA
GGATTGCACTCTCAACAGTCTCAACTGCCACACGAACGGCGTGACGCACCTTGGTGTGTTGGAAGAGGA
GTGAAACGAGTATCAACAAATTCAGAGTCTAATGACTCGAACCAACGAAGAACTGGCAAAAGATTTATCAT
CACAAGATAAAGGCGACAGTAGTTCCGCTGAATGTTCTTGAACCTGCTTGAAGATCAGATATTCGAAAAA
GTGCATAGAGCAGTAAACAAACTAGATTAGAAAGAGGAAAAAGAAATCTTCTGCCTTTGGGTGTTATG
ATTTTCATGTATGTTTGTATTATGTTCTACTAGAATTTTACACTTGAATCATCATCATGTTTTTCCAGACTCCTTA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGCCCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_974 NM_129479|Arabidopsis thaliana nodulin family protein (AT2G39210) mRNA,
complete cds

CATCTTCATCGTCATCGCCGAAGACTACAAATTCTGGCGCGTAAACTATCTCAACTCCTAAATCCTTCTCCACT
CACAATCATCACCCAAAAACCAACACCGCCGCCGCCGCAAAACCTCGAAACCTCCGGCATATCCCCTGCCGGG
AAGCCAACGTCATCAACGCCGTCCTGCTGGACAACCGCCCTGAAGCCCCCTCAAGAGGCGAAGATTACACGA
TTCTACAAGCGCTCTTCAGCGCCGACATGTTCTCTTTCTCTCCACCGCGTGCGGCGTCGGCGGCACTCTC
ACCGCCATCGACAACCTCGGCCAAATCGGCGCTTCTCTACAGTATCCTAAACGGAGCATTAGCACGTTTGTATC
ATTAGTAAGTATTTGGAATTACCTAGGGCGCGTAGTTCGGGTTTCACCTCCGAAATTTTCTCACCAAATACA
AATTCCTCGAACCTAATTCTAACCTTAATTCTCTCTCTCTGCGTCGGCCATATCCTAATCGCCTTCAATCC
TCCTGGCGGCCTCTACTTCGCTTCAATCGTAATCGGATTCTGCTACGGCGCTCAATGGCCGATTCTATTCGCCA
TAATTTAGAGATCTTCGGCCTCAAATACTATTCCACGCTTTACAATTTGGATCCGTTGCGAGCCCAATCGGG
TTGTATTTTGTCAATGTTGAGTCGCTGGACATTTGTACGATGAGGAGGCGAAGCGGCAGTTGGCGGCGTCC
GGGATGAAAAGGATACCCGGAAAAGAATTGAACTGCGTTGGTGTGAATTGCTTTAAAATGTCGTTCAATTAA
TCACCGGAGTTACGTTGCTTGGTGTCTGTTCTCGTTTGTGTTTGGTTCTTAGAACTAGAGCGTTTACAAGACTG
ATATTTATAGGAAGTTTAGGGAGGAGGTTGAAGAAGATGAAGCTGGTGGAAATGACGTCGTTTCGAGTAATA
AGTAAATTAAGGTGGCTTATTGTTGGACATTTTGAATTGGATCCATCTCTGTGAATTCGACTCCGATCACTAG
ATATATAGTTTCTAAAGTATTTTTTAAGAGAAATTAATAGTTAAACGATGGAGTGAACCTTTGCTCGATGCATC
TACGCAGCAAAGTATTTTGCTCATTTTTTGTATATTACTTTAATTAAGTTGTAGATTATTGGTTGTTTATCA

>trans_s_975 BT004613|Arabidopsis thaliana At5g60800 gene, complete cds

ATGTTAGAGAGATACAACTGTCAATATTTAAGTTCATTGCTGTCCGCAAGTCAACTTGGGACTTTATTTTAAAA
TATTATTTTAACTCATCAAAGATTCAAAATTTCCGACCAGATTCCGGTGACGACGGCGACGTTGAAGGTGGA
ACTTCACTGCCAGGGTTGCATCGAGAAGATTTACAAAGTTGTATCCAGAACAAAGGGAGTGGAAGACATGGC
GATTGAGAGACAAAAGGATTTAGTAATGGTGAAGGGGAAAATGGATGTGAAAGCTTTGATTGAGAATTTGG
AAGAGAACTGAAGCGGAAAGTTGCAGTGGTGGTACCCAAGAAGGATAAAGACGACGGAGCAAAGGGCGG
AGACGGCGGTGACAAGAACAAGACCGGAGGAGAGGTAGCTCAAGAGGGCGGAGCAATGGAAGGAAACCG
GCTTGATTACGTGGCAGTTCGGTTCGGGTTATGATACGGGTACGGATACGGATACGGGTATGGGAATGG
TGGATTTGTTGGACAACATTTGCCTCAGCCTCAACCTTTGCTTTGCTCTCAAATGTTTAGCGATGAGAATCCAA
ATGCTTGCTCCCTTATGTAACAAATAATCAAATACTGGTTAGTTTATTTATTTATTTTATAGAAAAATGTAATTT
CTTATTGAATTTGTAAAACCTTTATTCCATTTCTTCTTTAGAGTCTTGTAAGAAGTTTATAAATAATAATCTCA
TTTTGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAAATTAATAAACCCCCCCCCGGGGGGGGG
GCCCCCCCCCTTCCCCAAATAGGGGTTTTAAACCCCCCCCCCGCGCTTTTTTAAAAACCGGGGGG
GGGAAAAAACCGTGGGTTCCCCAAAAATAAACGGGACGCACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGAAAAAAA
AAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTACACTTGCTGCCCTGGGGGAGAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCTCC
CTTTCTAACCCGGGGGGGGG

>trans_s_976 NM_122273|Arabidopsis thaliana sterile alpha motif (SAM) domain-containing
protein (AT5G23680) mRNA, complete cds

GACTAGCGGTGATAGGAATGGGAATGGTGGGAGAGGGCTGTGTGGGGAAGATGGGGTTAGAGTTTGGCTC
AACGGCTTAGGGTTGGGTGCGTATGCTCCAATTTTGA AATTACAGAGGTGGACGATGAGGTTTGGCGATGT
TGACACTCGAGGATCTCAAGGATATGGGAATAAGTGCAGTTGGGTGCGGAGAAAAATGTA CTGCGCAATAC
AGAAGTTAGGGAAGGGATTTTCATGAGTTCTGATCTCAAAAACATGTAACCAAATTTTCAGACATGGCAATGT
AAGCTGCTGCATGCCTGAATTAATCTTTGAACATTTTGTGCTACATTTTCTCGTATCGGACACTGTAGGTTCT
TTTGGCAGACTTTCATATTTCTGATTTAAGTAACTTACATCTTCATCTTCTTATACTGCAATTTTCCCCACAAA
TCTTTTTTCATATCATCGTGAAAACATATGGTGAAATAAGATTACCGATAGTGCTTGCTACAAGATACAAAAG
AACCAAAAAATAAACCATTTCTTGCCGATTCTGGGATGCGGATGAACTGATTCCACTGCCTCTAATATAGCGTT
TGACCATTCTGATTTTATAATAATGTCTCTTGGTCTTACATGAAAAGATTCTGCATTTTGTGTTCTCTTCAAATA
GTACAACTACATTAGTCATCTGACCAAGTTTTTCCGCTCTGGGAACTGGAAGCTGATGTGAAATTGTGGTCTTA
AATGTGGTGACTCCGCTCGTGAGTTTGTGTTGCCAAGGAATGCTAATCCCCAAGGTAGTCTCCATTTCCAGAGA
TACGAAGAAATTACTTGAGCTACAATCTATACTTCATTTGAAGATTCACGCCAGTTTTCAGTTTGCTGAAGATT
GAAACCCACTCCTTTGGGAAGAGAGTTTCATTTCCCAAATACAAATTGTTGTAGTAACTAGATGTTTGTGTTGAG
TTGTTGAATCTTTTGAGTATTTTTTGGTATGTAAACGCTGTGCGCTCTTCTCCCTCATTCCCCCAAATTAGC
AGAGGAGAGGGAATGTGGCACTCCCAAATTAATCGATCCCCTAATTCAGCATTTTGTGGGAATTGAATTTGG
CACTCTGTTAATAACAACCTGGTCTTATTGTATTGACAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_977 BT029455|Arabidopsis thaliana At4g32030 mRNA, complete cds

GGTTTTCTTTTCAGACCTTACCAATCTATCCAACCCCCGCTCAGTATGGTATTGAAGGACGAGTGGTTTTGT
GCCGCCATGGCCGATGACAGCGTCGTCGTTGAGTTACTCGTCCGTCTCAAGCAGTCTCAAGCCTCCTCCTCCAT
TAAGTCTCCCGTTATTCCCCCAGATGGGGTCTCAGGCAACGCCGTTCCAGGATTCTTCCCTTTCCGATTGCA
TGCCGTTGCTCACAAGAATAAGGACTCTACCTCCACCAGATGCAGCCCCACCACCCCTCTCTTTGGAGTGGCG
ATACATCCCCCTCTGCTACCGCCGATGGATTGGAAGAGTCCAGTCATCCATCCGAATTCTCCCTCTCCTCCAGAT
CCAAGGGTTGCGGTATTAATGAATTCAGTTCTAGCACTGCCATGGCCAAGAGGTTAAAAAGAAGGAAGGCAT
TGGCTGATCTGAGAGTGGAGGAGTCTTTACTTTTGAAGGAAAGGGTACATCTCAAAAAGGAGTTGGAAAGCT
TACATGCGACATTCAAGGAGCAGACGACTAACAATGAGAAGTTGAAGAAAATGAAGCTCAATATGAATTTCA
ATACATCATTGGATCACCTTCGGGACATGTCAAAGCCAGTAGCTTCAAATCAACAGTGCCAAAGGGCGGATCC
TACAAGTGAAGTGTTCTGCAACTTTGCCGATACAAACCGTACCTGAAACAGTTCACAATCAGAATCAAAC
AACAGACGGGAGATAAATTCAATGAAAGTGGTGGTTTCTTTCTACCAGATCTTAATATGATCCCAGCTGAGG
ACTGTCTCTGAGTCTCTCATTGATCATGAGCTGAAGACGTGTTTCGACTCTTCAAGGACATTACTTCACGGTAA
ACGACTTGTCGGATGCCAAATGAAGAATAATTTACTGAGTAGATCGTTTTTCTAAGATGATTCTTGAGGTC
ATAAAGGAGATTGACAGAGTCAAGAGAATTTCAAACCTGGGGAGTTCCTTCTGTTGCTGTTTCGAAATCTTT
GGAGTAGAATACCTTATTGAAATTCATTCAATATTGTAGGATCAAACCTGTTTGATTCTTTGTAGGTAAAAAG
AAAAGCTAATCAAACCTGTTCTATTCTGAAATGTTTTCTCTCTCGATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_978 AF074940|Glycine max ferric leghemoglobin reductase-2 precursor mRNA, complete cds

TTCTTGTCTGCTGGTAGAACTCCATTCACTTCTGGACTTGGACTCGAGAAGTTAGGAGTGGAAACCGATAA
GATAGGTCGGATTCTAGTAAATGATAGATTTGCCACAAATGTGCCTGGAATCTATGCTATTGGGGATGTAATT
CCTGGGCCAATGTTAGCTCACAAGGCTGAAGAAGACGGTGTGCTTGCGTGAGTTTTAGCTGGTAAGACA
GGTCATGTTGACTATGACAAGGTCCCTGGGGTTGTATATACACATCCTGAGGTCGCCTCTGTCGGAAGACAG
AGGAGCAGGTGAAGGCGCTTGGTGTGCTATCGTGTGGGAAGTTTCCATTCATGGCAAATAGTAGAGCTA
AGGCAATCGATAATGCTGAAGGTATTGTCAAGATATTGGCTGAAAAGGAAACAGACAAGATATTAGGAGTGC

ATATAATGGCGCCTAATGCAGGGGAGCTGATTCATGAGGCAGCTATAGCTTTACAATATGATGCTTCAAGTGA
GGACATAGCCCGTGTTTGCCATGCACATCCCACAATGAGTGAAGCAGTGAAGGAAGCTGCTATGGCAACATA
CGACAAGCCAATTCATATATAAGACACAGTTAAACGTGTGTTATTCCATTTTTTTCTTCTTAGTCCATATTTTCT
TTTTTATCAAAAGGAGCTTGGAGCTTGAAATGACTTTCTCGGGTCATTTATTTTCTTGTCACTCTCTTCAGTG
AAGGGTTCGAAGTGTTTCAAATACACATTTGCTGTTTTTCAGCTTTTGTTCCTGATTAAAATAATGTTGTG
CTTTTATACTCAATTTTCAAATAACATGGAATCAGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAAAACCCCCCCCCCG
GGGGGGGGCCCCGCCCCCTTTCCCCCAAAAGGGGTTTAAATCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAAC
CCGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGGTCCCCATTTAACCCCTCTGCAAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGG
GAAAAAAAAAAAA

>trans_s_979 NM_001052278|Oryza sativa Japonica Group Os02g0125100 (Os02g0125100)
mRNA, complete cds

ACCATGACAGAAAAGATATTGGCTAAAGCGTCGCAAAAACGGATTGGAGCCCGGGAGATCACGTCTGGGG
GGCCCTCCAACCTCTGAGGTTTGTCTGATGGATGGAGAAATGCCTGATTATTTACTTGCGAAAGACTTAATTTGCA
AATAATTGGTGAAATATCACTATCTGGTGCAACATACAAAGCCATGGAATTTCTCGGCACAACAATTGAAAGT
TTAAATATGGAAGAAAGAATGACATTGTGCAACATGGTTGTTGAAGCTGGAGGAAAGAATGGAGATATTCCT
CCTGATAGTACTACATTCAAGTACCTTGAGGATAAGACAACCAACCCCTTTGAACCAGTTTACAGTGATGAGA
ACGCAAGATTTCTTTCAGAATACAGATTTGATGTGTCAAACTTGAGCCTGTGGTAGCTAAGCCCCATTCTCCT
GATAACCGTGCTTTAGCAAGGGAATGTAAAGATGTGAAATTGATAGAGTATATGTTGGATCTTGTACTGGG
GGAAAGACGGAGGATTTTCTGGCTTTGGCTAAAGTTTTTGTGCTGCAGGAAAGAAGGTTAAAGTTCCTACAT
TTATTGTCCCTGCCACGCAAAAGGTTTGGATGGATTATATAGTATCCCAGTACCTGGAGCTGGTGGTAAACT
TGCTCTCAGATATTTGAGGAAGCTGGGTGTGATACACCAGCAAGTCCTGGTTGTGCTGCTTGTGTTAGGTGGCC
CTAGGGATACTTATGCACGGATGAATGAACCACAGGTTTGTGTTTCAACAACGAACAGGAACTTCCCCGGTAG
AATGGGACACAAGGAGGGACAGATTTACCTTGCTTCTCCATACACTGCTGCAGCCTCAGCTTTGACCGGATAT
GTCACGGACCCAAGAGAGTTCTTGCAGTAGATCTAACCCAAATGGAGATTACAATAATATGTATGCCCCCTGT
ATTATTTAAGTTGAAATAAGGCTTCGTCATGTCTTTGTTTGTATCTTCTTAGAGCATGATTAAGGAAATGG
TCATATCTCGTTTCTAAGTTTCATGAGATTTTGGTCTATATTAGGATTTTGAAGAAATGGATTGTTTTAATTAAT
TATTATCATTAACAAGTTATCTATAATTATAGATAAATGCTACGTTACGAACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_980 AY899280|Capsicum annuum Sgt1b mRNA, complete cds

AGAGTATTAATGTCCCCTCTAGTGGATCACAGAGACCTTCCTACCCCTCCTCTAAGCCAAGAAGAGATTGGGA
TAAGATTGAAGCTGAAGTGAAGAAGGAGGAGAAAGACGAAAACTAGATGGCGATGCGGCATTGAACAAGT
TTTCCGAGACATATACAAAGATGCTGATGAGGATACAAGAAGGGCCATGCAAAAATCATTTGTGGAATCAAA
CGGCACAGTCCTGTCAACGAACTGGAAGGAAGTGGGATCAAAGAAGGTTGAAGGTAGCCCTCCAGATGGTA
TGGAATTGAAGAAATGGTAGATCTGATCTGATCTAGAGCTTTTTCCCTGTGGTTGGATTGTTTAAAGTTTGAA
AAGTTTTGATGGAAATATTTCCATTTGGCGTCAGTTTGTAGGCAGCCGAGTCACCATCATTCTCCTTTGTTTC
TGCTTGATTTTTCTACTATTTCTGTAAACAGTTGTTTGCTTATTCTTCTGTTCTGAACCTTTGTGATTATTATAT
TAGAAATTGAATGGCTTTAGTTTAAAAAACTGTCGACCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCGGGCCCAAAAAATTTAAAAAAACCCCCAACCCG
GGGGGGGGGGCCGGGACCCAATTCCCCAAAGGGGGGGCAAAAAAGGGGCCCCGGGGGCGGCTTTTTA

AAACCGGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGGTTCCCCAAATTAACCCCTGGGAAAAAACCCCTTTCCCCAGG
GGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCAATCCCCCTCCCCAAATTGGCCCCCGAAAGGGGAAAGGGGA
ACCCCCGGGAACGGCCAAAAAGGGGGGGGGGGGGGGGTAAACCCAAAGGGGGCCCCAAAATTTGGC
GGGCCCAAAGCCCCCTTTTTTTTTTTTCCCTTTTTTTTGGCCGGGTTCGGGGGGTTTCCCCAAAAGGT
AAAAAGGGGGGGCCCTTTGGGTCCAAAATTGTGGGTTTACCGCCCCCCCCCCCCAAAAATTGTAAAA
GGGAGGGGTCCACAAAGGGGGC

>trans_s_981 XM_002325200|Populus trichocarpa glutaredoxin C4 (PtrcGrx_C4.1), mRNA

AGAAAACCTTTGTTGCAGCCGGGAAATCGTATTGTATCAATGGCAGCCACGGTGGTGACAATGAGGATGAGG
ATGATACCCACGGTACGCGCCATGGCTTCATCTTACCTGAATCACTCTTCGTCAAGAAAACCATCGCTCCCA
CCAGACTGTCATCTTCTCAAATCCTATTGCCGTATTGTGAAACGGCAAAGCCGTTTTCAAGGATTTGAACA
AAGTTCCTCATGTTGTTGAGTTGGATCAGAGGGATGATGGGAGTGCCATTCAAGATGCTTTAAGTGCACCTGT
CGGAAGGCACTCTGTACCTCAAGTTTTATCGATGGAAAACACATAGGTGGATCAGATGATACTGTTGAAGCA
TATGAGAGTGGAGAATTGAGTAACTCCTGGGTATTGAGGAATAGGATAAGGTGATTCATCTCTAAAATCGT
ACCTTCAATTCTAAGCAGATATCTTGCACATACAGATTGTATTTTTGCTTGAATCAACTGCTTATTAATTATATT
CTTCAATGCGAGGATAAATTGACCACTATATGATATTATTTGTCCCGATGAAAAATTATTTAATGAAGTTGTT
ATAGGTGTGGATTAATAATATCTACATCTTTTTAGGGAATTATTGAGTACAAATTTAAAGTACTTTTTGCAGTTTT
TTCGCATATGATCTATTATCTATGTTGAAGTTCCCATAGTAATAGTAAGGATTTAGGTAAGATCAGAAATAGTC
TATTTCTAACCGTTAAACAGATTGAAAACAAAACCTCAAATAGTTATTTCTTAAGGAAGAAAAGAAATTTTTT
ATTTTTAGCTTAGTTTTTTAAATGTGAAAAATCAAATTTATCTAACAATAAACTAATATTTAATAATTGATCTA
AAAAAGATTGTTTTTTGATAACAAGTAGTTAATAAACATAAGCATATGGTTGGCATTTTTTTTTTTCGAAATGA
GCCTATCTCAATTGACGTTTGTGAAGAAAATAATTTTTTTTATTGTTAGTTCAGGCTAACCATTTATTTTAAAA
AAAACCTTATCAACTAGATAAATTCGTTAAAAAGAAAATTTGCAATAATACAACCTTTTATTTAGGGACATTTTTAA
ATACTAGTACTTAACATGCGATGTTCTGTAATATTTCAAACATTTTTCTATTTTATGATTGTCACATTC

>trans_s_982 AF428365|Arabidopsis thaliana AT5g64470/T12B11_6 mRNA, complete cds

TGTTAGAATACTAAGCTAGGGGTGTTTGTCTGGTACAATGCACCATGTAAGATAAAAATTGCTTTTAACTCTTTA
GTTGCCATTTTACAATCTCACAAGGTTTAATTCTTACCAGGTGGGGTTACGATAAATTTCCAAAAGAGAAACCT
TAGTTTTTTATCGTGCTGGTCAACCAATAGTTCCAGCTCTCGAGATGATGGATGGACTCAAACCTTGTTCTTAA
ACATATGGTCTCTCACATACAAAAAGAAATTCCTGGCAAGACACTCAAGTTTTGGCGTCTACAATCCCTAGAC
ATTTTTATGGTGGTGAATGGAATCAAATGGCAGCTGCTTATTCAATGAACCCCTTGAAGAATCTCAGGTGAG
CAAACCTTTCCTTCAGTTAAGTTTGGCCCGTCTTTAACTTCCTCTTCCACAAGGTGATTGAGTAATAATAACT
GGACAGCTAGACATTTGGTTTGATCCAAGCAACAATGGGGTGAATAGAGAAGCGAGAACAATAAATCGTCTC
ATCGACGAGGCAATACGTGACACAGATTTGAGGTTCTTGATCTCACTCACTTGAGTGAGTTCAGAGCAGATG
CTCATCCGGCCATTTGGTTGGGAAGACAAGATGCTGTTGCAGTTTGGGGACAGGACTGCATGCATTGGTGCTT
ACCGGGGGTTCCAGATACGTGGGTGACATTTTGTCCAAACTCATCAGTCATCACTTGAAGATGGAATAATCT
CTAGAGTAAGAATATGTTCATTTTGAGTTCAAGAGGTTGCGACATTTCCACGAAGATCCTCTAAAAACCTAC
TCATTGAATTGAAAGTCTGGTCTTGAAACATTAAGACCACAAAATACACATAAAGGGTATAGAGATCCATTT
TGATGGAGAAATGTACTGCTGTCTGTAAGAAGATAGAATCTGATCATGATGATTTTCTACAAAAGTAGGATA
AAAAGTTGAGTTTCTTTCTTCTGTTTCTCACTCGCACTAAATGATTCTTGCTAGATTACAGGCATCATTGG
CAATGTAATTTCTTGATTGTTGCTAATCAATCTATAATCTAAAATCAAATATTATTATCCGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGACAAATCAAACCCTCAAAAAAATTAACAAAAACATAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_983 HM122504|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L4)
mRNA, complete cds

ACGGTCCTGCGTCTAACATTTTTGCTGTAAACATAATGGGAGATCAAATCAATTCAGCTGCAGTCCCCTCGCTC
TACAGCAACACCGCCCCGGGAGGATGTAGTAGCGGTACAAGCGGAGGAGGAGCAATCCCACATATGTCCGC
AACAGCACTGCTACAAAAAGCAGCACAATTAGGCTCAACAACGTCAAGTAGCAATACTACAGCGACATTGCTA
CGCACATTTGGAAGCTCCTCGACCTCAAGCGGAAAGGCATCAGATAGAACGCTCTTCCCACCAAGTTATGGCG
GAGTAGTATTCAGTGAAAACGAGAGTAATCTCCAAGACCTGATGAACTCATTGCAAACGCGAGCTCAGGGA
GCGGGATGTTGCGGTGTTTTGGGGTGGAAAGCTTAGAGGATCCAACGAAGTTACAACAGAATTTAAGCACAG
TGAGTATGGGAGGTGGGACAGATAGGTTAACAAGAGACTTCTTAGGGGTGGGACAAATCGTAAGAAGTATG
AGCGGAGGTGGTGGCGGTGGCGGTTATTCACAGAGAGAACACAAACAAGGGGGGCAAGGGATAGTTATGG
AGGGTAATGAGAGCAATACGGCGCCGTCAAGCAATGCGTTTTGGTGGTGGAAATGGAACTACCAAGTGAAGA
AAAGAGAAGAAGGAAGAGAAGAAAAAAAGTACAGACAGAAACAGATTTTTCAAATGCAACAAATATCAAT
GCCTGCCAACTTCAATCGGTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAACAATATCAGGTAGTTTTTTTTCTTTTTCTT
GTAATTTTACCATGAGAGGAAGGACAACCAGATAGAGATAGTTTTTTTTTTTTTGATCTTTTCAACTAAAT
GTATTAATTCCATATCTTTCTGGGCGACCAATGAGCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTATAATT
AATTTTTAGTCTATCTAGCTAGACTAGGCTAAAAATCCTCTTCTTATAGTTCCATAGACATTTGCAAAGTCAAT
GATCCATTTCTTGATTACTCTTATTTTCATCTCTTCATTTTTGTTGCTTAGCAATAGTGAAAAGAGAAGAATTTAA
AGCTTTGATTAATTCTTTACATTGAACTATTTTATGTTAGTTAGGTTATTTTAATGTAGTGTGTCAATGTTTATG
GTCTTTT

>trans_s_984 NM_001052758|Oryza sativa Japonica Group Os02g0201000 (Os02g0201000)
mRNA, complete cds

ACTGATTATCAAATGGATCTGTAAAAAGTTTCAATGCAAGTCACAATCACAATAATTTCTATCCAATACTGCCT
TGTTTATCCGATTCTATCCGAAATTAGGGATTTTGATTGATTCCCATTTTCCCTTCGATTTCGGCATGTTTCTG
TGTTTTCATGTTTGTAATCTGATTTTCGCCGAATATGGTGACCCGAGAGAGCTGGTTTTCTGTTTGGATCGATC
GACTTCTCTTGTGTTAGGGAGCATTAAACCTGCACCTGCCATCTCTGGAATAATCTGAACTCTAGGATGCCA
AGCATGTCAGAAGATTTTTGGAGTACAAGCACGTGTGATCTGGACGAGTTGCTTACACTTCAATCTCGACAGA
ATTCATTTATCAGCACAACGAACCATAACTCTAACCATGGTGGTGTGATTGATAATTTAAGCAATCATTCTGACT
TTGTAAATCATGGTTTTGTTCTTTGGACTCAGACCCGCCTTCGGTGGGTCGGAAATTGTGTGCCTGCTAAACGA
ACTAAAAAAGTCATATTACAGGATTAAGTTGGTATATGACTAAAGAACTATTGTTGGAACCAGAAAGCCTT
ACCATCGACGCATACCTTTATCGGAAATGGTAGACTTTCTGGTAGAAGAATGGGAAGAAGAAGGGCTATATT
ATTAAGCCGGTCAATTGAAAGAACAATCACCTTGTGCATACACTATCCTTGTGACTTTTTCTTTCGTGTTTTGG
AGTTCAATTCCGCGCCTACCACCTTAACCTGGGATCAACTCGATACAAGTTTAACATACAAAATGACACCATTG
GTTTGCTAACCTTTTCGATATTGCTGCTACATTGGAGATCTCTAAGGGGAGGGGCCAATTGTGAAGTAACCCA
AAATCAAAGATCTTCAATTGATCGGCGAGCTAAATGGTAAGCCCCCTCCGACCAATATACTTTATACATACAT
ATCAAACCTTTCTTCATCATTAGTTTAATATATGATGAAACATCAACTTGCAGTGTGTTTGATGCAATGTTGTTG
ATGACCGACTCGTTGTAATTGATGTAAAAGAATAGATAATAATTAATCTCTCTAAACAAACTCTTCTTTGTTTT
GAATTCCTGATAAAATATCAAGATTGATTTTGTGGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_985 NM_117193|Arabidopsis thaliana BTI2 (VIRB2-INTERACTING PROTEIN 2) (BTI2)
mRNA, complete cds

ATCAACCTTAGTAGGTGTGGATTTCTCTGAGCGGAAACGGCAAGAACAAGGACTTTCGTTTTCTTTTTCTGAT
TTTGATCTGTTTTCTTTTTCTTCTTTTTCTTCTTCTAGGATTTCTGTAAGTGGTTTTTTTTTTCTGG
GATCTGTTCTGTTCAAGTTTTTACTTAGCTGTTTGTGGCTATGGCGGAGCATCACGACCACGAGCATGAACATG
AGGAGCCTAAAGGTGAGTCGTTGCTTGACAAGATTACCGAGAAGATTCATGCTCATGATTCTTCTTCTGAT
TCCGATGATGATAAGGGCGATACTTCTGCTTCTATCAAATCTAAGATTTATCGCTCTTGGTAGGGAAAGGCC

CGTCCACAAGGTCTTCGGCGGAGGAAAAACCCGCTGATATTTTTCTGTGGAGAGACAAAAAGTTGTCCGGTGG
AGTTCTAGGAGGAGCAACTATCGCATGGATTTTGTGGAGTTGCTTGAATATCACTTTCTGACGTTGATTTGCC
ACATTTTATGGCTGCTCTAGCAGTAGTGTTCATGGTCCAATGCTTCTTCTTCATTAACAAGTCTCTGCCGC
ACATCCCTCAAGTTCACATTCCAGAGGACCCAGTGATAGAGATTGCCTCTGCTTTGAGAGTTGAGATCAATAG
GGCCATTGCTGTCTTGAGAGATATTGCATCAGGAAGGGATCTGAAGAGCTTTCTTTATGCAATTGCTGGTTTG
TGGGTTCTATCCATTCTAGGAAGCTGGTCAACTTCCTAACCTTGCTATATATTGGAGTTATTGTGCTCTCACC
GTGCCCCGTGTTCTACGAGAAATACGATGACAAGGTGGACGCCTTTCAGAGAAGGCAATGGCCGAGATCAAG
AAACAGTATGTAGTATTTGATGCTAAGGTGCTTCTAAAATCCCAAGAGGACCACTGAAGGACAAAAAGATTG
CTTGAGAGATGCCCCACTCTTGTGGTAGTAGTCTGTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTGTTCTTTGATTTG
GTGGTNAGGGTTTTTGTATTGGCATTCTGAAGTTTCATCCATGAAAGAACCTGTCTTTATACTTGTGTTCTC
ATCAGTGGGGGTTGGCAATGTGGATTAATTTGTGGATTGCTGAAAAATACACATGATTTTGCTA

>trans_s_986 HQ009847|Gunnera manicata classical AGP mRNA, complete cds

AAGATATATCTTGAATTACCCATTTTTCGCCAAGAAGAAGAGGCTTGTTTTCCGCAAAATCCGCCATTCTTG
AAGGTTCCCTTCTGCCTGAGCGAATTATCCAGAAGCTCGTGGAAGTTGGCAGGGAGCTGAGTTTTAAAAATCG
CATCTTCGTAAACAGGCTCACTTCTAATTTCCATGGCTCTCAATCCTAATCTATTTCCAAATGGGATGCCCCGT
CCCTTACCAACGAGCTTTTCGTATTGGCTAGAGATGGCGTTGAATTTGAGATTGATAAGATCCCCGGGGCTA
ATAGTGATCGTGTGAAAGCTAAAGGGACTATTTACTTATCAAATGTACGCATGGTCTTTGTCTCAAATAAACCA
GATCCAGTCTTTACTGCATTCGACATGCCTTGTCTATGTTCTGTATGAGAAGTTTAACAGCCAATATTTTC
TGCAACAATATATCTGGATTAGTTGAACCTGTGGTGCCTGAAGACCAGCACAGAGCTCTCTACTCAACTCACTC
ATTTAAGATTTTGTTCAGGAAGGGGGATGCGGTACTTTGTGCCACTCTTCTTCAACCTGCTGTCTTCAGTGA
GGCAATACAATCAACATATGAATGCAGGTCTCGAGTGGATCCATTGCAGGCAGCACAAACTCCTGTCGATGA
AATGATGAGACATGCATATGTTGATCCAAATGATCCAACCAAAATCTTCTTACAGCAGCCAACAACGGAGTCC
CAGTTAAGGAGGCGAACATACCAATCCCAACCAGTGAAAATGCAATGTGAAGGTAGTTGAAAAACAATTTTC
ATACTATAGATTCGTTCTTTGTTATTATCTACAAGAAGTGAGGGACTTGATGATGCAGCGAATGAAGACTTGT
ACAGTTGAAAAACGTGTTGTTGAATCTGTAGTCAGGAGCGGTCAATTGTCTACTGAAGTTTCACTTAACTCTT
CCAATATGTTATTTTGCATGCTGATGCATGGCATAAAGTAGTATTTATCTTGTTAATGTAATCTATGTGTTATAT
CAAAATAAAATAATAGAATTTTTTACGGTCTTCCGATTGTATGAGTTCTGACGGCTATATATATACATATATACA
TATATTTTGCTTATGAAGTTTGGCGTTAATTTGTGGGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_987 XM_002321035|Populus trichocarpa glycosyltransferase, mRNA

CTCTTAACCGATAACGTCCTTGTTGCTTCTGTTGTTGTCTCTTCTGCTATTCGGAATTCGGTTGAACCTCATAAA
TGGTGTTTACATTGTACAGACAAGAAAACCTTACACGCCAATGCACGCCTGATTGCAACCAATTCAGTTGAT
GATTCGGTTGTGGTGGAATTAAGGGACTGCATCACTTCGAATGGTCCGAGGATGTCAATAGCAGAGTTAAA
GATATGTTGGAGATTCATCGCTTGATCTGGAAGCGTTACTATGATGATTTCAAAGGAGCTAACTTTGATTTGA
TGGAGAAGATAAAAGAAAATTGGATGTTCTTAGTCCCAGCAGTCTCTCCCTCTTGAATCACCTCCGCATTTATG
TTCCCGAGATCTCAATAAGATCGTGTTCCTGGACGATGACGTTGTGGTACAACATGATCTGCTCTTTGTGGG
ACATAAACCTTGGTGGGAATGTTTTTGGTGCTGTCCTGATTCTTGGTGTGGAGATGGTTGTTGTTTCAGGAAG
GAAATACAGCCACTACCTGAATTTCTCCTATCCTTTGATATCATCAACTTTGATCCCAGATCGCTGCACGTGGCT
TTATGGCGTGAACGTTTTTCGATCTCGAAGCTTGGAGAAAAACCAACATCACATCCACATATACCAATGGCTG
AAACATAACCTCAATTCTGGATTGGCATTGTGGATTCCAGGGGAACTTGCTCCATCCTTGATGGCCTTTAAGGA
TCATATGTACCCATTGATCCATCATGGCACGTAGCTCGATTAGGTGAAAGACCCCCACAAATTTTCTCAAGG
AGATCCTCGAAGATGCTGCGGTCTGATATTTAGCGGCCAGCAAAGCCGTGGCTTGAGATCGGGTCGCCAG
AGGTACGAAACATATCGAATAAACATGTAAATTTCTCAAATAAGTTTATTAAAAGATGTAGAATAATGGAGTG

AGGAAAACAAGGTTTTCTCACTTCTAGCACTAACTAAATTTATTTTGGGACCAGATACCAAATGAAGAAGAT
ATTGTCTGAGACAAGAGGGAAGAAGGTTTTGCCTTCAGTCTCTGCTTAGACTAATCTCTACAAAAGAAAATAT
GAAATATTGGTTAAATTATGTCCATACTATTACTAGGTAAAAGATGAAGGTAGCCATTAGCCNAATGCATATT

>trans_s_988 EU294212|Nicotiana tabacum pheophorbide A oxygenase 2 mRNA, complete cds

TGTTTTGCTTCATCGTTTTTTTGTAAATGGCTCTTCGATCTCTACATCTCTTTTTTCTTCTACTCTTATTACATCCTC
GTTATATGATGTAAATCTCTCAGAATAGTTCCTTCTTTAATCGCTGTGGATCGGAACCCTAATTTTTGGTTGAG
GAAATTGCGCAGTACGGCATCGTGTATCAGGCCTCTTCGAGTTGCTGCTCCTCCAACGCCGCCATCGACGGTG
GATTCTGAGAAATCTGAGGTGGTGGATTTCGGATGACGTGGAAGTGGATGAATCGGGGAATGAGAGTTGCTC
TACGCCATTTTCTGGAGGGATAATTGGTACCCTGTTTCCTTGATTGAAGACTTGGACCCTGCTTTGCCAACTCC
GTTTCAGCTTTTGGGAAGAGATATTGTTCTTTGGTTTGATAAATCAAGTGGCGAGTGGGTTGCTTTTGATGATA
GATGCCCTCATCGGCTTGCTCCTTTGTCTGTAAGCTTCCTGACTTGTTCTTCCACATCTATCATTGTGAGGCTGC
TCTTTTAATAAAATGGAAAAAATTGAAAAATGTTATGCAAAACGTTTTCGTTGGGTTGCTCCTTGAAATTGGTT
TTTGATCTAGGAAAGAAGTTAAACAAGTTAGGAGTTGATAATGTGACTGCATTCTGGCTATCTAGCTCCAATA
AGGTTAAATAGTTGTGAATGTTGGAATCCTCTAGTCTCTCTGGTGAACCTTGAGCGAAGCTGTGGGTTTGTATT
AGTGAAAAGAACCATCCAAATGATGCTCTTGCAATCCTTTTTGCCGTACATCTAAAACCTTGTCATTCTAATTT
ATGAAATTAGCTGAAAAAATGGCATCTATATGAGCCAAGAACCAAGAGATCTCAACCCCCACCCCCAAAAGTA
TACAAAAAAGAAAAAAGAAAAAGAAATTAGCTGAAAAAAGACAACCTTTAAAGTTAGTACCCAAACGACCC
CAACCATGAATCCCAAATCTAGTCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAATTTCTACTAGCTTGATTAGCTATA
AATTTTAAATTGCAACTTGAAAGATACATCGAACAATTGAATTATATTTTCTAAACCCTAAACTCTAAACAAGCC
ACCTCAAATTTCTAAACTGTTACCACCTCTAGATTATAGCATTGTTACTCCTACTACTTATAGGCT

>trans_s_989 AJ438264|Nicotiana tabacum mRNA for protein kinase CK2 alpha chain (ck2A2 gene)

AAAGTTGGAAGAGGAAAAGTATAGTGAGGTTTTCGAAGGTATAAATATCACCAACAATGAAAAATGCATTATC
AAGATTCTTAAGCCTGTCAAGAAGAAGAAGATAAAGAGGGGAGATAAAGATATTACAAAATCTCTGTGGCGGC
CCAAATATTGTGAAACTGCTAGATATAGTCAGAGATCAGCACTCAAAAACCTAGCTTAATATTTGAATATGT
GAACAGTACAGATTTCAAAATTTGTACCCTACACTGACTGATTATGACATACGCTACTATATATACGAGCTTTT
GAAGGCCTTGGATTACTGCCATTCGCAGGGTATAATGCATAGAGATGTAAAGCCTCACAATGTTATGATTGAC
CATGAACTGCGAAAACCTCGTTTGATTGATTGGGGTCTTGCTGAGTTCTACCATCCAGGAAAAGAATACAATG
TCCGAGTGGCATCTAGGTATTTCAAAGGGCCAGAACTTCTGTAGATTTACAAGACTATGATTATTCTTTGGAT
ATGTGGAGCCTGGGTTGCATGTTTGCTGGCATGATTTTCCGGAAGGAACCCTTCTTCTATGGTCATGACAATCA
TGACCAGCTTGTCAAAATTGCTAAGGTGTTGGGGACAGATGAGTTGAATGCATATCTGAATAAATATCAACTG
GTTCTTGATCCACAACCTGAAGCTCTTGTTGGAAGGCATAGCCGCAAGCCATGGTCAAGATTTATCAATGCTG
ACAATCAGCATCTTGATCCCCTGAGGCCATTGATTTTTAGATAAGCTTCTTCGATATGACCATCAAGATAGG
CTCACTGCAAGAGAAGCCATGGCTCATCCATACTTCTCCAGGTGAGAACTGCGGAGAACAGCCGGCTACGA
ACGCAATAACCCCATATGTGTAGGAAGTTAAAGTTAAGTAGCACTTTTGGTCATTGTGGCGTTAGTTTCTTAA
GCCTAGGTTCTATTTTCCCACTCACCTAGGTGGGTAGGCTCATACAGATCATGGTTTGCCACTTCTTTGTTCTGC
TGTAACATTGCAATTCTTATACTATACTATTACTACTCTTCTAACTCCACTGTATATTTTCCCCTCTTTTTAT
GAAGTTTTTACTATGAAAATTACTACTTTTGCTTGCTGTTGCTACTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_990 EF571266|Phaseolus vulgaris cultivar USCR7 cap-binding protein-like protein mRNA,
complete cds

GGGGCGGAATTTGGCCCTTAGGGCGGGGGTATTATTTTGTATGCCATAGACGTTTCCCTCTCTTTGGTT
AGGGCGTCGGTCTGCTTAATTTGCAATCTCAAAGAGTTGGTGACAAAAGCAATTTAGGGCATAACGAAATTTGA

AGAAGACGAATCTGTCAATGGAGTTCGTAGGCGAGAAGAGGGATTTTGATTCTGCCAACGACAACAACAAGC
CTAACTCTGCTCAACCACTTCTTGATTCTTCTTTCAACCCTCACTCGCTGATGATACTAATGCCAAAGAAGCTG
AAGAATTTAGTGAACGCATAGCTCGAGACCTTAAAGATGGCCTTCATCCTCTAAAGCACAAGTTTGCAATTTGG
TACACTCGTCGAACACCTGGAGTTCGGACTCAAACATCATATGAGGACAACATAAAAAAGATTGTCGACTTCA
GCTCGGTCTGAAGGTTTTTGGGTAAGCTATTGCCATTTGGCTCGTCCTTCTTCATTGCCAAGCCCAACAGATCTG
CATCTCTTTAAGGAAGGAATTCGTCCACTTTGGGAGGATTCCGCCAACTGCAATGGTGGAAAGTGGATAATAC
GATTTAAGAAAAGTTGTATCCGGGCGATTTTGGGAAGATTGGTTCTTGCATTAGTGGGCGATCAACTTGATTTT
GGCGATAACATATGTGGTGCCGTGCTTAGCATTGTTTTCAACGAGGATATTTTGAGCGTCTGGAACCGTAATG
CATCTGATCATCAGGCGGTGATGGGTCTGCGAGATTGATCAAAAGGCACTTAAAGCTCCACATGGGTATGT
AATGGAATACAAACCTCACGATGCGTCTGCGTGATAACTCGTCATACAGAAACACTTGTTGCGAGGATGA
GAAAAATGAGAATGTACCTCTAAACTGAACGATGTTTACATGGTCTGCACTTCCCTAATTGCTTTTGAGACCCG
TCTTTGGATGTTAAGCAATTGATTCCCTCTGATAATTTTTTTTTCTTTAGGACATTGGAGCTTTTCTTAATTACAT
GTTTGTCTAAGGTGAATAGGCTACTATGTAATGTAAATATTTGGACATTTGTAAGTGTAACTGCTCCTGACA
CGTGGACCTTGAAGAGACACTACACCTTTAGATCACTTTCTGTTACATGTTATAACTTAACATTGNTCATT

>trans_s_991 AY579888|Lycopersicon esculentum AML1 mRNA, complete cds

ACTTATGATAAAGAACATTCCCTAACAAAGTACACCTCAAAGATGCTTTTGGCTGCAATTGATGAACGCCATCGA
GGAACATACGACTTCATCTATCTGCCCATGGACTTTAAGAACAATGTAACTGGGATATGCGTTCATTAACAT
GACTGATCCTGGCCTAATTATTCCATTCTATGAGGCATTTAATGGAAAAAATGGGAGAAATTCAATAGTGAG
AAGGTGGCATCACTTGCATATGCTCGCATACAGGGAAAAGCTGCTCTCATTGCTCATTTCCAGAATTCAAGCTT
AATGAATGAAGATAAGCGATGTGACCAATCCTTTTCAACACAGATGGCCCAATGCAGGCGATCAGGTTCCG
TTTCCGATGGGGGTAAATGTACGCACTAGGCCTGGCAAACTCGAACCAATACGCCGGACGAAAATTCTGAT
GAAGGTCTACTAATTTCCGGAAATGGTGAGAATTATCCAAGTGAGACACATCTTCTTCATGTCTTGTAAGG
ATTTGGACCAGCCCGTACCATAATTTTTTGTTCACTAACCTTAGAGGACGAAGTAACATAAACTACATCCA
CCAAAGTTTGACTTAATTTTTCATAGTGGCTGAAGGCAGGGCAATTCGCTGCAGTTCATGACATTAGAGAAGG
AATGCTTAGCCAATGCTATGTCACTCTCTTCCCTCACCGTCAAAGGGAAGAAAAAGAACAAAAGAACCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGAAAAAAACAAAGGAGCTCTGAAACAATAGTTCAAGGAGCATCTGTTG
GAGCCTCCAAATTTTGATTTGAGAGTGATAATATTATATATTATAAGAGATGGAAATTAAGGAAAGGAAAGA
CTTCATGTATATGAGTATTTGATCCTTGGAGATATTTGTGATGGTTTGACGTGAGCAGATGAGGCTTCCTCTG
CTATACCCCACTTTTTTTTTCTTCTCTTTTGTATTTTTACTTTTGTTGATTTTCTGTTCCATTTTTATTTT
GGGTTTGACTTGCAAATTACTTGTAACAGTTGAGAATGTGAGAGACAGACAGAGAGGGAGCTCATGTGAA
AAATTTTGAAATGAACTAATTATCAAAATTTCTTTGCTTTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_992 EF530141|Actinidia deliciosa cysteine protease Cp1 mRNA, complete cds

AATTAGAGGTTGTCGTGTCCTCGGTCAAGTTCCTCACGCTCTCCGATTCGCTCGATTGCTCACCGGTATGGG
AAGAAGTACGAGACGGCGGAGGAGATGAAACGCCGATTTGGGATTTTCTTGAGAGTTTGAACTGATCAA
ATCGACTAATAAACAAGGCCTTTCTTATAAGCTTGGTGTTAATCAATTTGCGGATTGGACGTGGGAAGAGTTC
AAAAACATAGGCTAGGAGCTGCTCAAACTGCTCTGCTACCACAAAAGGAAGTCACAAGCTTACTGATGCTG
TTCCTCTTGAATCGAAAGACTGGAGGAAAGATGGCATAGTTAGTCCTGTAAAGATCAAGGCCACTGTGGTTC
TTGCTGGACATTCAGTACAACTGGAGCGCTGTCTATTACTATGCACAAGCACATGGAAAGGGTGTCTCCCTG
TCCGAGCAGCAGCTTGTGGATTGTGAGGTGCTTTAACAACCTTTGGCTGCAATGGTGGACTGCCTTCCCAAG
CTTTTGAGTACATTAAGTACAATGGTGGCCTTGACACTGAAGCAGCATATCCTTAACTGGAAAAGACGGCAA
ATGCAAATTCGTCTCTGAGAATGTTGGAGTACAAGTTATTGATTCTGTGAACATCACTCTTGGCGCTGAAGATG
AATTGAAACATGCAGTTGCTTTTGTTCGACCTGTAAGCGTAGCATTTGAGGTGGTTAGCGTTTTGCTTGTAT

TCAAAGGAGTTTACACCAGTAACTCATGCGGCAGTACCCCTATGGATGTAAACCACGCTGTGCTTGCAGTTG
GTTATGGTGTGCGAAGATGGTATCCCATACTGGCTTATAAAGAATTCATGGGGAGAAAACCTGGGGTGACGATG
GCTACTTCAAGATGGAGATGGGCAAGAACATGTGTGGTGTGCAACTTGTGCTTCATACCCCATTGTTGCTTA
GAGTACGAGAATGGCAAAGCTTCTTTAAGGTACGGTTATGGTGGATAGAATGATGTGCAACGGCCCTCGCAC
GCGGTGGTGTGGTTCGACAAATTACTTTGACTGTAAGGTAATGTACTTGTGTTTGTAAATTTGCATATTGAGA
GATACTTGGATAAGCTTTTATAATGTACTTCGCTGGTAGCTCTGTTGAGTGGCGTGCCCAAACCTGTGTTGACTT
GAGAGTGA

>trans_s_993 AF139500|Prunus armeniaca p69RF mRNA, partial cds

TGGAATGAAATGAATTATTGCTTCCATAACAACAGGACACACAACCTATCCACCTCAACAGTACTACACACTGC
TGCATTGATGCACGTCAAACAAAAAAATTTGGGAGTTTCTTACGCTTGTGTTTGAGTTGATGCATACTGGAG
AGCACATAGACATTTTTGCTTCTTTCTTTAAATAGTTATGAACCTTATTTTGTGTTGATGCATCGCAACCAACC
AGCTTTTCAGGATAAGATAAAGATAGACAATGGCGGATTGAGGCAACAAATTCATCCTCACTCCACTGTCCAA
AACCACATAAAATTACGATAGATCTTCTGAGCTCAAAGCTTTTGATGACACTAAATCCGGTGTCAAAGGATTA
GTCGACGCCGGAGTCACTGAAATTCACGCATCTTTTACAGGCCACCAGAGGATTCCGATTCCGACGATGTTT
CTAGCAAAACCCAAATCCAGATCCCCGCGATAGATCTCAACCACGTTGGCAGTAATCACTCAAACGCAAATA
CACCACCGATAGAATCCGAGAAGCTTCAGAGAAATTTGGGTTTTTCCAACCTGATTAACCATGGGATTCCGGTG
AGCGTTTTGGAAGGGGTGTATGACGCGGTTCTGAAGATTTAACGAACAAGAAACAGAAATAAAGAAACAATAC
TATTCTCGCGACTTCTCTAAGCCTTTATTTACATCAGCAATTTTGATCTCTACTTTGCAAAAACCACTTGGG
GGGATACATTTAGATACGCAAGCGCCACAACCTCCCCAGGATCAGCAAGACATACCAGAAAATTTGCAGAGACA
TTCTGGTGTATTACTCAAACGATTGATGGAAATCGGGAAATTAATTTGAAATGTTATCGGAAGCACTGGG
AGTGAATCCAAATTAATTTGAACGATATAGGATGTAGCGAAGGGGTTTCACTTGCATGCCACTATTACCCGCCA
TGCCACAGCCAAACTTGACCATCGGCACATCAGAGCACACCGACAATGATTTTATCACTGTTCTATATCAAGA
TCACGTCGGCGGCCTACAGATTGTTACGAGAACATGGGGGGTGGAGGTTGCCCTGTGGACGGAGCTTTAG
TGGTGAACATCGGAGATCTTATGCAGCCGACAACAAACGACAAATTCAAAGCGTTAAGCATAGAGTTGTTG
CGAAA

>trans_s_994 AY461432|Nicotiana tabacum ANT-like protein mRNA, complete cds

GAAAAAAGTCGCTTCAAGTTGCCCGTAAGGGGAGAGTGGATGGTTAAATTTGGAGATGAATGAAGCGAAC
GGATGGATGAGTTAAGTGCATTTGGCAGAAGGGCAATGGCCGTTGGAAGATTTTGATGTACCTTAACACTGC
CTTCAATGTTTGTAAATCAATAAAACGTAAGTGAATTTTCTTTCATTTGTAGGCTTAATCTCTTTATTTGTCTCC
TTCAAACCAAATTTGAGTCACCATTACTTTTATGTTCTACAACGTTTTGTCAAATGTTCTTAACCCACATGAATTT
TGGTTCATTATCTAGCAGATTATGGGCTATTAGTATACTTTTAACTCTAAAGTTGAAATTTTGAACATTCATAAA
GATTTCAATTCAGTTCACAACACAATGCATATTAATCAATGAAAATTTCTATTATCGGCATCCCATTAAATC
AAATGAACAAAAGAGTGATCATCATCAGAAAGGAAATTTTGTCTCATCCACAGCTTGGCTTTGCTGTGTAGG
AAGGTGTCCTAAGATTATTCCTCGTTTCATCATTTGATGAACAATTAACCACTTGAAGAACCAATAACACAA
CAAAATCAAACAAACAGCAAATGAATCAAAGTATCAAATCTCAATTAGGAAGAGTGACATAAATGGGAAAT
AGAATGGTATACTCAGATGGCAATGGAGATTATTAGGTTGATTCTGCCAGCAGAGTCTCCTCAATGGATTTT
AGAAGAGGGAGCTTTTTATCCTCATTGTAACCTCCCAATTTCCCAAGAAAAACGCTCTTCACAAAAGAGTAGA
AAAGAAAAAACAGATTTTCTGTTGGAAGAGAAAATGAAAAGAAAAAAGAGAGAGACGGCTCAGTTTCGAAAGT
AATCGACACGCAAGATTCGAAAAGAATCCTGCATTCCGGTCTGTTGAGCTTGATCTTTCATGAAATCACCAAA
GCCACTTGTGTACATAAAACCAACGAAGGAAAAATCCAAAGAAAAACGAACTAGGAAACCTCGCAGAACAA
CGAAAAACAAAAATGATTTGAAAAAACAGTGAACATAGAATTTGTTAATGAAATTAAGTAACAGTAAAAATAA

AGAACCTCATGAAAAGAAGGAAGAAAGGGAACCCCTAAACCAGCTTCTGCCGCCGCTGACACAGACAAGAAA
GAGTT

>trans_s_995 NM_120871|Arabidopsis thaliana myosin heavy chain-related (AT5G07890) mRNA,
complete cds

GTCTTAGATTACCGATAAATCAGACTGGATTTCGGAAGAAATTCAGCTTGGAGTCCGAATTGTTTCAGGT
CCAATCTTCAAAAAGGCCCGGATTTCAGGAAGCCATAACTGAACCAATCATGGTCAAATACCAAATCTTTTCC
AAAAATAAAATATCTGATTGGCTGACGGTGGGATGGGAACCAATTATCGGAACCAAATCAATTTTGATGTAT
TTTTTGCTTCCAGGATTCAATTCATTCTGTACGTTTTCTTGCATGATATTCTCTGGTACTCACTCACCGGA
GGATAAATTCGCTTCCGCTAAGATGTTTCAGCTACTTGGCCTTGTCCCCTGTGCATTCAACGTTCTAGCGATTG
AGAGAAGATGTCGACAGCTAAAGAAAGAGAAGGACATAGCAATAGATTCTCGGCCTAAAAGCTTTCCACTGA
TAAGGGCTTACTCAGTTCATCTACATTTATAGACATTTCCATTATCATCCAGATGAACATCGTGACCTTTGACTT
TGTCTGACGCAGCCATGTGAACTCCTTATCAGAAGCACACAAGGAAGACAAGCTACGCATTGAAAGCTTGGGA
GAAGGAGTTGACAAATTGCACCGAGGAAATAGCAGGAGTTAAGAGAAGAGAAGTTGAAAGCGAAAAAGAA
GAAGCAGAGGACCTTGCTTAAGAAATGGCTGAGCTAAGGTACCAAATTAAGTATTTGCTTGAAAAAGAGTCC
AAGCGCGGGACTTGCATCGAACAGGGCGTCTTTACTGAGGAAACACACACATACTTTTAGGTGATGATGAGG
AAATATGTTACGTTCCGTTCCATGAATGGAGTTATGGTATAAGATTTAGCTCATTGTTGCTGCAATGAGGAATA
TGAAGTAGATTGCTTTGCCACGGTTCTTTCTGATAGCTCTGATTCTGAATCTTTGATCAGTGTCTATTAGCAGT
GTTGGTTTGTGATAATTTCTCACTGTTATAGATATATATGTATTTGTTTTGAATCACTCACTTCTTTGACACT
CATTTCTGTTTTGCCAAATTAAGTGGCGGTGAGTCTGGTGACCTTTTTATTTCGGTACATAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_996 XM_002882991|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-conjugating enzyme 31
(UBC32), mRNA

GTCCAATAAATTGCGACAGCCATCAATCTGTACGGCTTGGCTTTGATTATCGATTCAAATCCTCTCGTTTGGT
TCCGGAGATTGCTTCTTTTCGATCAAGTAATTTGTAGTCTTGTGATCGGTGGTGGGTTTAGTCGGATCGGAT
CTGCGATTGAATTGAGAAGCTATGGCGGAGGATAAGTACAATATGAAGAACCCTGCGGTGAAGAGGATCCTT
CAGGAGGTCAAGGAGATGCAGGCTAATCCTTCTGATGATTTTCATGAGTCTTCTCTCGAGGAGAATATATTTG
AATGGCAATTTGCCATCCGCGGACCTGATGATAGTGAATTTGAGGGTGGGATATATCATGGACGTATCCAATT
GCCAGCAGAATATCCATTCAAGCCACCTTCATTCATGCTGTTGACCCCAACGGTCGATTTGAAACCCAAACGA
AGATTTGTTTGAGCATATCAAATCACCATCCAGAGCATTGGCAACCATCATGGAGTGTGCGCACTGCCTTGGT
GGCATTAAATTGCTTTCATGCCACAAACCCAAATGGAGCTCTTGGTCCCTGGATTACAAGAAGGAAGAAAGG
CGAGTATTGGCCATCAAATCTCGAGAAGCACCTCCGAAATTTGGTACTCCTGAGCGTCAAAAATAATTGACG
AGATTCACGAATACATGCTGAGTAAGGCGCCGCTGTCCCTCAATCGGGTTCTCAGATGTCTCTGACCAAAA
ACCGACCAACGAGGAGTCTGATGTCCAGGTAACCTTCTGAACCTGCTGAACCTGCAGCTGCTGGGGAAGAGCT
GCAGAATCCACCTACAATCAACAGGATCGTTGAGGAAGCAGTACCAGAGGTCCAGCCGAAGTGGCAAGAGT
GGCGCCATCTAGTCGCCCCACCACTCAGGCTGAGCAGCAGAGGCCTGAGACGAGAGTTCATAAACCAGCTGA
CGACAGGTTGTTACATGGGCTGCCATCGGGCTCACTCTTGAATCGTTGTTCTTTTGCTGAAGAAGTTCATGA
AAGCAAGCGCTCATGGTTCTGTGTTTCATGGATGAATCTTAGAAGATTGGAGATGATATTTGTTGATTGATAGC
TTTTGGTCTTATGTGTATTGATAGTTTTAGCGTAAATCTAAATGTTTCATATCATTCTGATTCTACAAGGAAAA
AAAA

>trans_s_997 AY819699|Vernicia fordii NADH:cytochrome b5 reductase (CBR1A) mRNA, complete
cds

ACCTAACTCTGTGGGCACTCCATATTTCTCCGGTGGTTGTAGCTGCCGGAACCGGAAAAAGTTTGGTGAATCA
CAACCAATTATAAAATTCTTCTTTTTCCACTCAAAAATCGAAACCCATTGGATTTTTGTTTGGGAATAAGAATC
TGTGATGGACTTCTTACAGTCTTTGGATCCTCAAATCCTTCTGGGTCTCGCTGTGGCTGTTTAGCCCTTGCCGT
TGGTGCTCTCTATGTATTATCCTCCTCCAAAAAAGCAAATCTAGAGGTTGCTTGGATCCAGAGATTTTCAAGG
AGTTTAAACTTATCAAGCGTCTGCAACTGAGCCATAATGTGGCGAAATTTACATTTACACTCCCTAATCCTACTT
CAGTTCTGGGTCTTCTATTGGACAACATATAAGTTGCAGGGGAAAGGATGGCCAAGGTGAAGAAGTTATCA
AACCATACACGCCTATTACTTTGGATTCTGATGTTGGATATTTTGAATTGGCCATAAAGATGTATCCCCAAGGA
AGGATGTCACACCATTTCCGACAGATGCGTGTAGGAGATTTTCTGCTGTAAAGGGTCCCAAGGGACGTTTCA
GATATCAACCTGGCCAGGTCAGAGCATTGTTGTTGCTTGGAGGCTCGGGCATTACTCCTATGTATCAAGT
TGCTCGGGCGATTTTAAAAATCCAAACGACAAGACAAAGGTACATCTCATTTATGCCAACGTCACCTATGAG
GACATTCTCTTAAAGGAGGAGTTGGACCTTCTTGCCAAAAGGTACCCAGATAGCTTCAAGCTCTATTATGTCCT
AAACCAGCCTCCTGAAGTGTGGGATGGCGGCGTTGGATTGCTATCGAAGGAGATGATTCAAACCCACTGCCC
TGCTCCTGCTTCTGATATTCAGATTTTAAAGATGTGGGCCACCACCAATGAACAAGGCCATGGCTGCTCATCTTG
AAGAACTTGGATATGCACCTGAGATGCTGTTGTTGCTGATCCTTCTCAAGTCCTTCAAGAGCTAAGCAT
AATTTTCCCCCTTCTAAAATTTGAAGATTTCAAATTCTGTTTTATTTTTAACTAAAAATTTATGTACTGAAGA
GGTTTCCTTTTAGTCACTTTTCATTTAAGAAGGTTGGGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_998 XM_002329997|Populus trichocarpa ferroportin protein family, mRNA

AGTTGGGTAAATATTTAGGCTGCACCTTTGACAGTTGCTGTTGCTGTGTACTTGAGCGGGTCTTTTCCGGC
AGAGTCCTCTTCTTTTCTTCTTAGCTATGATCGTTTTATCTAGGCTCGGACACATGTCATATAATGTTGTAGGGC
AACAGATTCTTCAAAGTGTATACCATCATCCAAACGAACCTCATTGCATCAACAGAGGTCTCAGTAGCTAGT
TTAGCAGAGTCTATAATGTTGGGAGTTGCAATAATTGCCAACGATACTTCACATTTCCGATTCTAGCGATGCT
GTCACTTCTATCTGTTGTTGGAGCAGCAGCGATTTCTGCCAATGGTTGTTGAATCCAAGTATGAACAAAGGA
AACTTTTTTCTTTCAGCTCTCAGTTTGAGATGTCCTGATGCTAAAGCTGTGTTTGACATAAGCTGGAGCTTTTGG
ATTCTTGATACGTAGCACACAAATTAATACGTAAATTGGGAGGTCAAGCCCATACCATCTCTCTTTAATGTGC
TTATATTTACTTTGTGGGTAAATGAATACACAGTGAATGAAACAAACCTCCCACGACATATTTCAAAGCTAG
ACTAGACTCAATATCAATTCTGACGTTGTACATACCTTTCTGTTTCATCTTGTAAGCAATCAGTTCATTTAGCTT
GAATACTTTTTCTTCTATGGTGTGAAGAATCTTTAGTGAAGCTCCATTTTAAACAAAAAAGGGAAAGGAAA
GAATAAGAAAAGGTCCAGGGGGGGGTACCTTTGAATCATGCTGCTTTTTCTTCCAGCTTGAACATAGCAAGA
CTAAAGGACTGTTTCACTGTTTCATGTTCTTCATTTAATTCTTGATAGTAGTAAATCATCATGAATCCATTATCT
GGAAGGATCGAGATTTTTACCTCACTTCCTCTTGAAAATTATTGAGATATTTGAGTTTTGAAAAGAAGTCTGAG
TAAGATTCTGAAGTTTTTTCAGTTTCTTTTGTGTTAAACAGCAAAGAACAGAGAGAGTACCTTTTGTGTTGGTG
TAATTCCACTTCCATGGTTCCATCAGCTGATAAAAAAATGTGCACAATAGTACTGTTGCTTGATGGTAACCA
TCAATGGCTTTAATTGTACCTCATGTTATTTATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_999 NM_113143|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein
(AT3G22440) mRNA, complete cds

GTGATCTTGTCCAGAACTGTTAGACAAGGGGAAGCAACTTTAGCTGTCAAATTTATCTTCGAGTTTGAGTTG
ACTGAAAAATTTTCGCCTGTTCCCATCTTAAAAGATTATGTGAAGGAGTCCAAGAAGGCAGCCAAAGCAGTAA
GCAAGGAAGGAAAAAATCTCTCAGGGCACTGAATGAGGCTACCGCTAAAGAAGTGGGTGCATTTAAATCTG
TCATCAGATTGATTGAAGAATACAAGCTTGATTCTGATTATCCGCGAGTGAACCTTGAAAAGCGAATTGAGCA
GCTGGAAAAACAACAGGCCAACAGGAAGCGTCCTGCAGGAGCTTCTCCTGTTATGGCCAGACAAAAACAGTC
GCAACAACATCAGCAAGCAAAACAAAAGTTTAAAGAAACAGAAATTGCAGCTGAAGAAACAAATGTCACAACT
GGTTCCAATTAATCGCCACGCATGGCTGCTCCAGTTGTCTCTGCAGCAGTTCCAACATCGTCGGTGTGGAA

ATCCAAATTATCCCCCATATCAACAAACACGCCTACCTTCTGCAGGTTTGGTAGCTGAACTGGTGCCTCTTATC
AACAATCTCTTCTACAGCCAGCAGGTTTGTACCAAATTATCCTGTTTCATATGCACAATCTCATCTACAGCCAG
CAGGTTTACTGCCGGAACACCCTGCTCCATTTGAGAGCTCATCGGCTATGGCCTATGGTATAGCAGTGGCAGG
CTCCACTCCAGCTGTTGCCTCTTATCATGGCTCATCAGCTGAGTATTATGGTTTGGCTGGAGGCCCATGGGTT
TTCCTGGAAATGCAACCACTGCTAATTCTCACACATACCAATCAGAGCCATATGCACCACCTGGGTATGGTGTG
GGTTTGCCACCCCATTTCCATCCATCTTACTACCCCCAGTAGTTTTGGAATTGTCTATCATCGCATACTTTTTGGA
TCAGCTGCTTGCTATGGTGGGATATGACATGAAATGGCATCGACCATCTTCCCATCTCTTGTAGTATCCATGAA
TATGGTTTTGTTCTTTTAGTACAGTTGGGATATTAAGTTTTTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1000 XM_002880542|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRPA2/ROR1/RPA2, mRNA

GGAGGGATGGTGAAGCGGTGGGATATCTAGGTTTTACCGAAGCAAAATTTCAATTTCTCAAAGTCTCTTCAAA
CTGCTCTCGATCACTCACTTCGATTCTTGTAGGGTTTCATTATTCTTCACTCCTACCTTTACAGGGGAAGAAC
GATGTATGCAAGTCAATTCGACGGCAACGCTGCCTTCTCCGGTGGTGGATTTATGCCATCTCAGACCACCCAG
GCCCCTGATCACTCATTCTCTCCGGCCAAAAATCGGGATGTCCAGGCATTGCTTCCATTAAACAGTGAAACAGAT
AAACGACGCATTCTGTCCAGTGACGATAAATCAAATTTTGTTATTGATGGTGTGATGTAAACAATGTTAAGC
TTGTAGGGATGGTGCCTAATAGAGCAGGAAAAATTACTGATGTGACTTTTGCACTGGACGATGGCACTGGAC
GGATTGACTGTAGCAAATGGGTCAATGAAGCTGCGGATTCAAATGAAGTTGAGGGAATATTGGATGGCATGT
ATGTCCGGGTCCATGGCCACTTAAAGAGCTTCCAGGGTAAAAGAACTTTAAATGTCTTTTCTATCAGGCCGGT
GACGGACTATAATGAGATCACAAATCACTTCATCGAATCCATATATGTTCAATTTTACAACACCAGATTGCGGA
AACAACAAAGTAGTAGTATGACTACTCAGCCACAGATGACAAATCTATCTAATACGCCCGTGAAAGGATATCA
AGCTCCCATTGCAAATCAATACACTGGTCAAGCAGGCGGTGATAGTTGGAAGAGCCTTGAGCAGATGGTCTT
AGATTTTCTGCAACTTCCTTCATGCGATTCTGAAAGAGGCGCACACCGTGATGTCATTGCTCAACAGCTCAAAG
TTCCACTAGAGAAGCTCATTCCGGCGATGAAAAATCTAGAAGAGGAAGGCCTAATCTACTCAACAACCGATGA
TTACCACTTCAAATCAACCGCCAACGGTTGACGTTTCTATTATGGTAACTAACGAATTGAAGTGAAGTTTTTTTC
AGTGCCGTTGTTTCGTTTCATCTATAGTTTAAAGTTGGGTAAATCACTGTGGTCAAATATGATGCTGAAACGTC
TGTTTTAGCCTCTATAACAGCGATCCAAATCCCACATGGCTATGCCTTGTTTATAGTTGATGCTATTATTGT

>trans_s_1001 FJ917371|Citrus maxima cultivar Shatian S-like RNase mRNA, complete cds

ATTGTATAAATAAATTTAGCATTTTTGGTCTCCATAGAGTTGTCGTTGTGTTGGGGGGTGGAGCAATTTACGG
ATCACCATGCTCTCTCTCTCCGCCATTCCCATCATATTTCTTCTTCAATTCACCATATTTCTTGCATCAAATACCTT
GAATCATGCTTCAGGTGCCGTAATTTCCAGACCAAGGACGGTCGAGAGCAGAGAGAATTCGATTACTTCAAA
TTGGCGCTACAATGGCCTGGTACTATCTGCAAGAGCACTCGCCATTGTTGTTCTCCAACGCATGTTGCAATCG
ATCTGGTGCTTTTGCTGACTTTACTATTCTGAGGTTATGGCCTGATTACAATGATGGAACATGGCCTGCATGTT
GCAATGGAAAAATTTTTGATGAGAAGGAGATTTCGTACTTTACTTGATCCCCTGAAGAAATATTGGCCATCTTTG
AGTTGTAGTTCACCTTCGACTTGCCATGGTTTCGAAGGGATCATTTTGGGCTCATGAGTGGGAGAAGCATGGAA
CCTGTTTCATATCCAGTAGCTCGTGATGAATACAATTACTTTTAACTACTCTCAACGTCTATTTCAAATATAATGT
CACAAAAGTTCTGAATGATGCTGGATATGTACCTTCAAATACTGAGAAATATCCTCTTGGAGGAATCATTTAG
CAATTCAGAATGCTTTTCGTGCCACCCCTTCATTAGAATGTAGAAAGGGTGAGTGAAGGAACCTTCATTTATGT
TTCTACAAGGACTTCAAGCCTCGTGACTGTGCTGAGACTCACTCACAGAATGTGATTGTCTCTTCTAGATCTTC
ATGTCCCAAATATGTGAGCTTGCCAGCATATGAGCCTGAAGCCAGGATTTTCGACTTCGCTGATTCAAGCGGG
CAATATCTAAGTGCTTAATTAAGTCGAGAAAAAAGTGCTTAATTAATCTCTCTTGAACATAACACATACTGT
TAATGTTATTTCTCTGCTGGGATATGTATAAATCAGTAATGTGTTATATTTCTAATATTTTACCTTTTGAAGGC

TCTAAAATTGTACAAACCATGCGAAATTTACAGACTGAAATTTTAAATTTAATTCAATCGAACACGTATTGTTAG
TAATGCATTTTGTACGATCAATTAGTGTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1002 NM_001036422|Arabidopsis thaliana kinase (AT2G37050) mRNA, complete cds

TCACTCTTCTTTCAAGGATTCATCACAGAAATCTTGACAATTACTGGGATATTGCCAAGAACAAGACAGAAGT
ATGCTTATCTATGAGTTCATGCATAATGGAACCTCTCAAAGAACATCTTTATGGTAAGCCCATGTCAATTTTGCA
GTGAACAATGCAGGTTCTGAAACCAACTGACTTCTCGTCTGTGTACAGGTCCACTAACACGGGAAAAAACTAT
CAGTTGGATAAAGCGCCTCGAGATTGCTGAAGATGCTGCTAGAGGGATCGAGTACCTTCATACAGGCTGTATT
CCAGCAATTATTCATAGGGACTTGAAAAGCAGTAATATTCTTCTTGACAGGCACATGAAAGCCAAGGTTTCAG
ATTTTGGTCTTTTGAAGCTTGCAGTGGATGGGGTCTCCCATGTGTCCAGCATCGTTCGGGGAACTGTTGGATA
TTTGGATCCAGAGTATTACATCTCCAGCAGTTGACAGACAAGAGTGATGTATATAGCTTTGGCGTTATTCTTC
TCGAGTTGATATCTGGTCAAGAAGCTATATCTAATGTAACTTTGGTGCTAATTGTCGCAACATTGTCCAATGG
GCAAAATTACACATTGAGAGCGGTGACATTCAAGGGATCATCGATCCATCGCTCCGCAATGAATATGACATTC
AATCGATGTGGAAAATAGCAGAGAAAGCACTAATGTGTGTACAGCCACATGGGCACCTGAGGCCATCCATAT
CTGAAGTGCTGAAGGAGATACAGGATTCAATTCTAATTGAAAGGGAAGCAAATGCGACTAGAGAAGGTAAC
CTGATGACATGTCTAGAAACTCAGTCCATTCTTTGAATATGGGTTCTCTCGATTGTGTGGGAACGAAAAC
GTGTCGTTTGACGAATCCATTGCTCGGCCTACCGCAAGGTAGGAGGGGGGTAGTTAGTAAGTTATATTGTACA
AACACCATTTTTTAGGAACATAAAGTTTGCATTCTTTACGCTTGCAAGTTTGTCAATGTGTCCCA
TATTTTGCATCTCTTATTACACATCTCTTTAAAAGAGATGAAATGGATAGCTAGTTGTAAATTATTATTTAACAG
ATTTTGTAGAGTTGTCATTGGGTGTTCTCCATTTGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1003 NM_179714|Arabidopsis thaliana TET8 (TETRASPANIN8) (TET8) mRNA, complete cds

ATTCTCCTTTCTCGCTCATTTTCCGTTTCTGGGTTCTCCTCTGTTTTCTTATTCCAATATCATGGTGAAACTCA
GCAATAATCTCGTCGGGATTCTCAATTTCAATTACCTTTTTGCTCTCTATCCCCATCATCGCTGGTGGGATATGGC
TCAGCCGACAAGGTACATCCGATGCTGAGAAATTTCTCGACACCCCGTAATCGTCATCGGTGTTTTCTTCTA
CTTGCTCACTCGCGGGTTTCATCGGCGCGTGTGTGCGGTGAGATGGCTTCTCTGGATCTACCTTTTCGTTAT
GTTCTTCTCATCTTCTTCTCTTCTGCTCTTACCATCTTGCCTTCGCCGTCACCAACAAAGGCGCCGAAAAGT
TCTTTCGAACAGAGGATATAAAGAGTACAGACTCGGTGATTACTCCAAGTGGCTACAGAATCGCGTCAGGAAC
AACAAAGATTGGAACAGAATCAGAAAGCTGTTTAGTCGACGGCAAGGTCTGTGCCGAATCAACCAGAAATTC
GCTTCTGAAACCGTTGAGCAATTCTACCAAGAACAATTATCTTCAATTCAGTCTGGGTGTTGCAAACCGGCAGA
TGAGTGTAATTTACGTACAAGACACCGACTCAGTGGGATAAACCGGCAAATGTTTCAAGTTTTTCGAATCCG
GACTGTGGTTTGTGGGATAATAGACCTGAAAAGCTGTGCTTCGATTGTGAATCCTGCAAAGGTGGAGTCTTG
GATAATCTGAAAAGGAACTGGAAGAAAGTGGCGATTATTAATATTGTTATACTTGTGTTTCTCATCATTGTTTA
CTCCATTGGATGCTGCGCTTTCAGGAACAGCAAAGAGGAGAATCATTATCCTAGATGGAAATGAAGTTATTGA
GTATTGATTTTTATTTTATGTTCTTTCAATTGATGCTCTGTTTTTTTTCTTCTTTTTTTGTTGTTCTAGTTTCCTC
AGCTACTTAGGTTTGTATTGTTGACTATTATTTGCTGTGATATATATGAATAAAATTTAGGGACTTTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1004 Z46646|C.plantagineum tkt3 gene for transketolase

ATGCTACAAGAAATCTTTCCCAACAAAACCTTAATGCCCTTGCAAAGGTTCTTCTGGTTTCCTTGGTGGAAGT
GCGGACCTTGCTTCATCAACATGACCCTGCTTAAATCATTTGAAACTTCCAAAAGGATACTCCTGAAGAGC
GTAATCTCCGATTTGGTGTTAGAGAGCACGGGATGGGAGCCATCTGCAATGGAATTGCCCTTCACAGTCTCG
ACTATTCCTTATTGTGCTACGTTCTTTGTTTTCACCGACTACATGAGAGCTGCCATTAGGATATCTGCCTTAAG

TCAAGCTGGTGAATCTATGTCATGACTCACGATTCAATCGGTCTTGGTGAAGATGGGCCGACCCATCAGCCA
ATTGAACATCTGGCAAGCTTTAGGGCTATGCCAAACATATTGATGCTCCGACCAGCTGATGGTAATGAGACCG
CAGGGGCATATAAAGTTGCAGTACTTAACCGAAAGAGACCTTCCATTCTTGCCCTTTCTCGACAAAAGTTGCCA
AATCTTCCTGGAACCTCCATTGAGGGAGTTGAAAAGGGTGGATACATTCTCTCAGACAATTCCTCAGGCAACA
AGCCTGATGTTATCTTGATTGGAACCGTTCTGAACTTGAAATTGCTGCCAAAGCTGCAGAAGAACTAAGAAA
GGAAGGAAAGGCCGTTGACTTGTTTCCTTCGTCTCCTGGGAGCTCTCAACGAGCAATCAGATGCATATAAG
GAAAGTGTTCTGCCGGCTGCTGTTTCTGCCAGAGTGAGTATTGAGGCTGGAACAACATTTGGGTGGGAGAAG
ATTGTTGGAAGCAAAGGAAAAGCAATCGGCATTGACCGCTTCGGAGCAAGTGCTCCAGCAGGGAAAATTTAC
AAAGAGTTCGGTATAACCGTGGAAGCTGTTATTGCCGCTGCCAAACAAGTTATTTAGAACAGGTTAGTTGTAA
TTCGCGGAAACGTATCCAACAACATAATTTGTTTGAATTTGGGCGGGAATTTCTGTAGAGACCACTTCCAAG
AGGTTCCGTTCTAATGACATGATCTTATGTTGCAATAAAAAGGTCTGAGTATTCTGTCCATTGTGTGTCTAT
GTCTATGTTTTCTGTGAAGAGGCATTGTTTGACGACGATAGAACTAGGATTTCTGTGTTCTTAAGAAACAA
A

>trans_s_1005 NM_125485|Arabidopsis thaliana COB (COBRA) (COB) mRNA, complete cds

AGCAAAGATTGTGAGGCCAACCAAAATTTGTTTCAGGAGATAAAGAAGAGTAACTCAAGCTTTGATGACTTG
GAACGTTACATGCACCTATTCTCAATTCCTGGCTCAGAAGACACCCACCTGTTGTGTTTCCCTCTCTTCTTCTA
CAATGATACTATAGTCAACTGCCCAACCTGCACTTGTGGATGTCAAATAACACGGCGGGTCTGGGAGCTGT
GTGGATCCAGATCCTCCCTATTTGGCTTCAGTTGTATCAGCTCCTGATAAATCAGGTAACAGTGACCCCTTGGT
TCAGTGTAACAGCCACATGTGCCCTATTCGAGTCCATTGGCACGTGAAGCTGAATTACAAGGATTACTGGAGA
GTGAAGATCACGATACCAATTTCAATTACCGAATGAACTACACTCTCTGGAATCTGGTGGTGCAACATCCCAA
TTTTGATAATATCACTAACTATTCAGCTTTAACTACAAGTCGTTGAGCCCATATGGTGACCTAAATGATACCG
CGATGTTATGGGGAGTTAAGTTCTACAACGATCTGCTCAATCAAGCTGGTCCTCTTGGAATGTGCAGTCTGA
GCTTCTATTCCAAAAGACCAGAACACTTTCACTTTGACAAGGGTGGGCTTTCCCAAGAAGAGTTTATTTCA
ATGGTGATAACTGTGTGATGCCACCTCCAGAGGCCTATCCTTATTTGCCAAATGCCAGTTCAGACCAGCTATA
TCTCTACTTGTGACCATCTTAATATCTTTGGCATTACTGTTGAATTTGCACAATAAGTCACGCCTACGGGGACA
ACAAACACTATTAGTTGCTCTACCACTCTAGATTTCCACGAGCTTTTGGCAATCTGGCCAATGGTGTGCAATTT
ACTGATGCTTAAATCAAAGGCAATATGAGCTTGTTCTATTTGTGGATGGGTATTTAACTCAACCTCATTCTTG
TGAGTTTTGGAGCGAATTGTGTTGTACAAATAGTTACATTATACGTTCAATCATTTTATTTGTATAATGATTAA
AAAGTATTTGTCGCTCTCAGTGTAATAACTTATGAAACAGTTCAATTTCCCATAGAATGCCTGTTTTCTTCATA
GTTCTTTGTTATTAAAGTTGATACATGATGGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1006 NM_103082|Arabidopsis thaliana disease resistance protein-related / LRR protein-
related (AT1G33590) mRNA, complete cds

TATCTAGAGTTAGGGCACAAATTTGATAACAGGAAATATTCCTGATTTTCTTGAAACTTTAGGGCTCTGGATAC
ACTCGATCTCTCATCAATTACATCTCTGGAGTTGTGCCGAAAAGCTTCAGAAATTTACGAAAATATTCAACCT
GGATCTGTCTCGGAATTCGCTGGTGGATCCATTTCCGGAGTTGTTGCGTGAAGGGATCGAGTCGTTGGATTTA
TCTTACAACAAATTTATCTGGGGAAAATTCCGAAATGGGTGACGTCGTCGCCGATTATATACTCTCTGAAATT
GGCGAAATGTGGGATAAAAAATGAAGCTGGACGATTGGAAGCCGACTGAAACGTATTTCTACGATTACATAGA
TTTATCGGAGAACGAGATCTGGGGGAGTCCGGTGGGATTGTTGAACCGGACGGATTACTTGGTTCGGATTTTG
GGGAGCCGGAACAAGTTGAATTTAAGTTGCAAGATTTGAGGATAGTGAAGAGCTTGAAGTACTTGGATTT
GTCGAGGAATGTGGTGTGGGTAAAGTACCCGGCGGGGTGGTGGGGCTGAAGAAATTGAATGTGAGCTACA
ATCATCTGTGTGGCCGGCTTCCGGCGACGAAGTTTCCGGCGACGTCGTTTGTGGGAAATGATTGCTTGTGTGG
GCCGCCGCTGCCGGCCTGCAAATGATGCGTCCTCCTCGACGACGACTACTACTGTGGAATTTAAACCGAGAC

GTAGTTTTCAAATTCATATCAACATTGGGTGAGTTCACCAACCGCACCACCGAATGCGAATGCGAATGCGTTA
AAAGGCGCATTTTAGATGAGATTATGTGGGGGCACGTACGTATGAGCGTTATATGAAACCTAGTAGCTCTCCA
TATCATCTTTTTATATGAAACCTAGTAGCTCTCCATACCATCTTTATATGAAACTAAGTTTGATACTGGTTAG
GATGGGACCTCAACCAAACAGGTTTATGCTTTGATAATTAATATGTACATCGCACGTGTTTTCTGAAATCCAAT
AGCACGTAACCTACCTTAACTAGCTAGTTTAATCAAATGCTTCACAGTTCCAAAGTTAGTTTTATCGGATGTTA
TTAAGCCTTGGTATTAAGTTGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1007 AJ508392|Medicago truncatula mRNA for RNA-binding protein (rbp1 gene)

AAAAACAATAGATTCCTCTAAATTAATCGGCAGTTAGGGTTTTAGGAATCTCCAATTTGTGCGTTAAGGTCAAT
TCATTTGTCTCCGCTTCCAAGATCCTGATTTCCCTCTGTTTTCTCAAGCACTAATTTTGAAAAATTGCAGCATAT
ATGGCGGATGATTATTGGAATCGGCAGCAGCCTTTGCTTCCTTCGCCAGCCATGCTTAAACGACCTCGTACTGA
TTATGAACTTCCTGCCTCTGGATTGTCTACCGGCCATGATATGCACAATTATTTAGCAAGTGATGATCGTGGTG
GTCCTCGGTACAGTAAAAGATACACAAACAATTGGTTTCGGCATATGATCGTTATCTCCAGAGTGTGCAACTTTCT
TCTTTTACTTCGGAGAAGTACCTACCCATGGAGAAATGGGCATGGGAAGGCCTGTTGCGAACAGAATGCCA
GTTGGGAATAGAATGCCTGGGCCTTTATTACCTGATCCTATTGTAATGAGTCGTCCTCCTGCAGTTTCTCCTGA
TCTTGCACCCAATGGTCGAAATATTGAGTATGGTAATCATCTTCCTGTAGATTCGATGAGCAGACCTGGACGT
GAAACTGTCCCTCTCCCTCCTGATGCCTCCAACACTTTATATGTTGAAGGACTTCCTCCAGATAGTTCCTGGCG
GGAAGTAGCTCATATTTCCGCCCTTTGTGGGATATAAAGAATTGAGACTTGTGAGCAAAGAATCTAAACAT
CGTGGTGGGGACCCCTAATATTATGTTTTGTGGATTTTGCAAACCCAGCCTGTGCAGCAACTGCCATGAGTG
CATTGCAAGGTTATAAAATGGATGAACAAGATCCCGAATCTAATTATTTGCGACTACAGTTCTCACGACATCCA
GGTCCGAGGTCTGTTTTGGATCTAGCGGCAAAAGGTGAATAAGCTATAGAGACAGGACGACCAATTTAAAT
GGAGACAGTGCTTTCTTAGTACACATTTTACTAGCTGCTTATGCATCCATTATATGTTAGACATGCTGTTGTT
GAGATAGCCAAATTGTAGCCGGCCCCATTGAATATTAAAGTTGCTTGAATTTAGGGGGATTAGATTCAAAGT
GTTTCAATAGTCATATGTGCAATTGAATTTTGATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1008 AL161596|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 92

ATTTCAAATCCAAAGATCTTCTTTTTATCGTCTCTTAATTTGAATTCCAATTCCTCACTTTTCAAATATCAATT
TTCATAATATCTTCAAACCCACAAAACCTCACTCACTCGCTTTCCCCTCTGTTTCATCAGATTCCTCCCTCCCACT
CCCACTCCCAATATGGATAGAACTAAATCCTCTTCAAATCTCGCCCATCCACCGCCGATCTGCTCACCTGGT
CTGAGGTTCCCAACCTGAATCTTCCCCCGCCTCTCGCTTCCGCCCTCGCTCCACAGCCGTCGGATAGAA
TCAGTAAAGTGCTCCAAGGGGGTCAGCTCACGGATGAAGAAGCCGAGAGCTTGATGAAAAAGAAGAACTGT
TCAGGGTATAAAATGAAGGAGATGTCTGGAAGTGAATTTTGCATCTAATGGTGAAGGGGATGAATCGGAA
CTTGATAACAAAACAGGGCTTCGGATGTATCAGCAAGCCTTGAATGGAGTTAGCCAAATATCCTTCGCTACTG
AAGAGGGGTTATCTCCTAAAAAGCCTACTTCAATTCCAGAGGTGGCAAAGCAACGTGAGTTAAGTGGGACAT
TGCAGAGTGATCCTGATGCCAGGAGTAAGAAGCAGATATCAGATGCTAAGAACAAGGAGCTAAGTGGACAC
GACATCTTTGGAGCTCCACCCGAAATAACACCAAGATCATTGGCAGCTGCGCGGAGCTTGAATCGAAAGAA
AGTAAAGATATGGGTGAACCAGCACCTAGAACCCTGAGAACTTCTGTTAAAGTTTCAAACCTGCCGGAGGCC
AGAGTAACATCCTGTTTGGTGAAGAGCCAGTGATGAAGACAGCTAAGAAGCTACACAACCAGAAGTTTCAAG
AGTTGACTGGTAACGATATATTTAAAGGAGATGCTCCACAGGAGCATCGGAGAAATCGCTGAGCTCGGCCA
AGCTAAGGGAGATGAGCGGGAACGACATATTTGCTGATGGGAAGGCAGAATCAAGGGACTACTTTGGGGGA
GTTTCGTAAACCTCGGGGTGGAGAAAGCACCATTGCGTTGGGTTTATTTAGCTCCTAATTTGATTGAATTGTC
TGACATTCATGTCTGTTTCTACTTGAACCTTTATTGTTATTTAGTGATCACTTGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_1009 AY106456|Zea mays PCO087051 mRNA sequence

>trans_s_1010 BT015392|Arabidopsis thaliana At1g72510 gene, complete cds

>trans_s_1011 GU984025|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY26) mRNA, complete cds

ATTGTCCTTTTTGAGAATTATTATTAATTATTGTAATATCAATGGAGGATTGGGGTTTGCAAGCAATTGTAAAAG
GGTGCAACGGAATACCAATTGGTTCTTCAACAACAGCAGCAACAACAAGGCTTATGGAAGATACAAATAATTT
GTATTCTTTTTTGAGATCAGATCAAGAAGAAGATGGAGGATTTTTTTCTTCTGTGTTTATAATAATTATTATAA
TCCTCAAATTTCAAGTTCTTCAATATTTGATGAGTTTGAAGGATTATTTGGAAGGAATTCATCCAATAATTC
AGCAGCTGCCTCCATTTCTCATCTTCTTAGAGATTTTAAGGAACCTGCTGATCAAAAGCTTCATCACAAGAACC
AAATTATCCAACCACTAAACAGAAACAAAGCAAGAAAAGTAGACAAAATAGGGTAGTGAAAGAGGTGAAA
GCAGATAAAGTATGTTTCAGATTCATGGGGATGGAGAAAATATGGACAAAACCAATCAAAGGCTCTCCATAC
CCAAGAAGCTATTATAGATGCAGCTCCTCGAAAAGGATGTTCTGCTCGAAAGCAAGTCGAACGTAGCCTCTCCG

ATCCCGAAGTCTTTGTCGTAACCTACACAGCCGAGCACAACCATGCCGAGCCTACTCGCCGTAACGCCCTTGCA
GGGACCACCCGGAAGAAGTTCCCGGCGCTTGAGAACCCGAATTTGGACATGATTCTCTCACCTAATAATTGCA
CTTCAGTGGCATCCATTGAAGAAGATCAACATCATCCAATGGAAGGTGTGGCAGATGGGGAAGTTTGATGG
ATATGCCATTTGAATTCCTCACTGGTTTGGAGGATTACTTTTTGGATGACGACTTATCCTTTTGGGGAAGTGA
TTATATTGTTGTTCAATTTATGAATATGAAATAGCAATTGTAAACTTATGATCTCCTCTTCTTGGAAAAGAGCA
TGTACGATCATGATGATTAAGGGTTTAGTGGGGTGAATTATTCGAAAGAAAATGGAACAAATGGTACAGA
GAGATGTCTTTTTCAAAAAGAAAAAAGATTGAGATGGTTTTTAAAACGGGATGGGAGAATCGAAATC
TCTAACATAAAATTGAGTTCATGTTAGTTAAGCTATGTGAATGAGACTTGTGACAAAAA

>trans_s_1012 AJ459484|Datisca glomerata mRNA for monosaccharide-H⁺ symporter (ht1 gene)

GGATCATTGGTTCTTCCAGATACCCCAAATTCATGATCGAAAGAGGCCAAATCGATGAAGCCAAAAAGAAAC
TCAGAAGGGTACGTGGAGTTGAAGATGTGGAAGAAGAATTTCAAGATTAGTTGCAGCCAGTGAAGCCTCTA
AACAAGTAGAACATCCATGGACAAATTTGCTACAGAGCAAATACAGACCTCACCTCACAATGGCTATATTAATT
CCTTTCTTCAACAATTTCCGGCATCAACGTCATCATGTTCTACGCTCCTGTATTGTTCAATACCATCGGTTTCA
AATCCGACGCGTCCTTAATGTCTGCTGTAATCACTGGCTCTGTTAATGTCGCTGCCACAATCGTTTCGATTACG
GCGTCGATAAATGGGGTCAAGATTCCTTTTCATTGAAGGTGGCATTCAAATGCTTATTTGTCAGGCGGTTGT
AACTGCGGCAATTGGAGCTAAATTTGGAGTGAGTGAATAGCGGAGAATTTGCCCCAGTGGTATGCAGTTGT
GGTGGTGCTATTCATATGTATCTATGTAGCTGGTTTCGCGTGGTCATGGGGACCTTTGGGATGGTTGGTTCCA
AGTGAGATATTTCCATTGGAAATACGTTCCGGCTGCTCAAAGTATCAACGTATCTGTAAACATGATCTTCACATT
TGCAATAGCGCAAGTGTTCTTGATGATGTTATGCCACATGAAGTTCGGTCTGTTCAATTTCTTTCGTTCTGGG
TGTGTGTGATGACAATATTCATCTACTTCTTCTTGCCAGAAACAAAAGGAATCCAATAGAAGAAATGAGTAA
AGTGTGGAAGACACATTGGTATTGGTCAAGATTCGTGACCGATAACAACCTTCAAATTGGAGCCTTAGAGATG
GGGAAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGATCAATCATCAAGACAGTTTAATTAATTTCTTCTTCTTAGTGTAAT
TTAATTTAGACTTTAGGGTTATTGACGTTGACATAAGTTTGTTATAATTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTTTG
TTTGAAAAGTTGTAGTGGTTATGTATACCTCTCGTTCTTATTGGTATATAGTGAGAAGAGAATATATTCTAC
GATTAATAATAATAATAAAAAAATTATCACTTCCAAAAA

>trans_s_1013 FJ594403|Glycine max dihydroxyacid dehydratase mRNA, complete cds

GTGGTTCCACTAATGCAGTGCAACACTTGATTGCTATAGCAAGGTCTGTTGGTTTAGAGTTAACCTTGATGAT
TTTCAGAAGGTTAGCGATCAGGTTCTTTACTTGGCGATCTTAAGCCTAGTGGAATAATGTAATGGAGGATA
TTCACAAGATTGGAGGAACACCTGCAGTCATTGGTATCTGTTGGAGAACGAACCTTTAGATGGAGATTGCAT
AACTGTCACGGGAAAGACGCTGGCCGAAATGCTAACTTTTCTTCTCTATCTGAAGGGCAGGAAATTATC
AAACCTTTGGAGAATCCCATCAAGGAAACAGGGCACCTTCAAATATTATACGGAAATCTTGCTCCTGAGGGTT
CAGTGGCTAAGATTACTGGCAAGGAGGGGCTATATTTCTCTGGTCTGCTCTGTTTTTGAAGGTGAAGAATC
GATGATTGCAGCTATAACAAAGGACCCCTCAAGTTTTAAGGGGAAAACAGTGATCATTAGAGGTGAAGGCCC
TAAAGGGGGACCGGAATGCCTGAAATGTAAACACCCACTAGTGCAATAATGGGGGCAGGTCTGGGGAAGG
AAGTGGCATTGCTGACTGATGGTAGGTTCTCCGGAGGTTACATGGCTTCGTGGTCGGTCACATCTGCCCCGA
AGCATTGGATGGTGGTCCAATCGGATTGGTTCAAAATGGCGATATCATCAATGTTGATATCAAGAACCGAAGA
ATCGATGTTCAATTATCCGATCAAGAGATGGAAGAACGAAGAAAAAAGTGGGTTCCACCTGCATACAAGGCT
ACTAGAGGCGTTCTTTACAAGTACATCAAGAGCGTGAAACCGGCATCGAAAGGGTGCGTGACAGATGAGTAA
GACTAACCTGTAGGCTGCAGTTAGAGTTACACCAGAAACAGTTCGTAGAAGCACTTCTTGCTTTCTACAGCCA
ATTTTCTAGAACGCCTTCTTTATCCTCTCTTCCCTCTCTCTACCATTTTGTTCAGTCATTTTATTTGTTGA
GGAAGACAGTGAACAGGCCATGCATTTGGTGTATCCATTTAATTTAATTAGTGACGTTTTTATCTAATTTT

AGAATCGAGTATATATCGAATACATTGATTCTTTGGTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_1014 GU732466|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D42)
mRNA, complete cds

ATCCTCCTAAGCTTACCTTAGTTAGTTCATCGATGCTCCATAAAATAATTATGCAATTTGCAATTCCTTCCTCTT
CTTTTTTCTACTAAAGTACCAAAAAAAAAAGAGAGAGAGATCAAATTGTTGGATTAGATAGACAGACAGACAGA
GTGACAGACGATTGAATTTGTCGGCCATCTTTGAGTTTGTCCCTTCACCTCTCGACGACGTGGTGGCCGTCACC
AATTCTCTATTTACACACTCCCTCTCTTCTCTAATTCTTTACATATAAAACAAATACGCACACACCCAACTTCA
TTCCTTCCCCTGTTATCAAACGCCGACCCCTCCAGTACTCCAATTCCAAGTCTTTCTCTTCCACTTTTCCTTCACTC
TCCTTCCGGACTTGGTCTCTTCATAATCCTTTCTTTCTTTCTATATTATCCATACTATGGTTGTTCTATAATTTG
CTCTCATACACTCATACCATGGAAGAGTCCGTAGACACCACTATCCGGAGAAGCGCAAGCAATCGGGGCGA
CAAGAGAAGCCATACAGAGGAATTAGGATGAGGAAATGGGGAAATGGGTAGCCGAGATCAGAGAGCCAA
ACAAGAGGTCTAGGATTTGGCTTGGTTCTTACACAACCCCTCTCGCCGCTGCTAGAGCCTACGACACCGCAGT
CTTCTACTTACGAGGCCCATCCGCCCCGTCTCAACTTTCCGGACCTGATTTTACAAGACATGGATCACCAGCTTCT
CGACGTTTTCACCTTCTTCAATTCGAAAAAGAGCGATTGAGGTCCGTGCCAGAGTGGACGCCGCCGCTCATCAA
ACTTCTCTCCGCAATCCAAACCCATCTCCGACAAGCCCGACTTGAACCAAGTTTCCAGACCCAGAAAGCTCTGA
TGAAGATTAATCGACGATCACTGTTTCATAGCCTTTTCCACTTCTGTATTTACCCCCTGTTTTTCTTTCCCATATC
TCCCACTCCGAAAAGAGATTCAAATCCTGGGGATTTTGGAAATTAATTTGGAATGGACCCATATGGTTCCCTT
CCTGATTTGCTATATATCTAAAAATATAGCTTCAATTTGTAAACAGGGGTGATGGTAAACAAATATGTTGATC
GATCCCTACAGTAATCTATCTTAATTTGTTATCTTCCCTGCCAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1015 BT026047|Arabidopsis thaliana At4g25770 mRNA, complete cds

ACCGCAGTGAGTGTAATTCTCAAGATCAACATTTGATGGGGTTGACACAATGGGAGAAAGACTGGCTGAAG
AGGTGTTAGGTGTCATAAGACGAAGGCCAGAGTTGCAGAAAAATTTCTTTGTGGCCATTCTTTAGGTGGGCT
TGTCGCAAGGTATGCCGTTGGAAGGCTTTTTGATCATATCCCTCAATTGAAATCCTCAGGTGCTGCTCAAAGTT
TCTCTACGGACGAGCAGAAGCAACATATTGAGCAATTCCATCATAAAAAAATTGCTGGATTGGAGCCTGTGAA
CTTCATAACAGTTGCAACTCCACATTTAGGTTACGGGGAAATAAACAGTTTCCAGTTCTTTGTGGTCTTCCTTT
CTTGGAGAGAAGAGCCTCTCAACAGCTCACTTAGTTGCTGGGAGGTCTGGGAAACATCTATTCCTCACTGAC
GATGAAAATGATGGGAAACCTCCTCTTCTCCTTAGAATGGTTACTGACTCTGAAGATCTAAAGTTCATCTCAGC
ATTACGTGCATTTAAGCGTCGGGTGGCATATGCAAATGTGAATTATGATCACATGGTTGGGTGGAGAACATCA
TCTATTCGCCGTCAACATGAGCTTCCAAAGTCAAGTGAGCTTATAAAAAACGACAAATACCCACATATTGTCTA
CGAGGAGCAATCAACTCATGATGATGTCTGCAATAACGCATTGCAGGACCAAAAACTCGACTTAGAAGAGGA
GATGATTAGAGGTCTCAATCAAGTTCCTTGGACTCGAGTGGATGTTAGCTTTCAGAAAAGCAGACAGAGATAC
ATTGCTCACAGTACCATTCAAGTAAAGAGCTATTGGTTGAATTCCGATGGTGCAGATGTGGTTTTTCACATGAT
TGATAACTTCCTTTATAAAAAGAATCTCAAACTTGGGATGAGTTGTTTGCAGATACACTTATCTGCAATTCAT
GTAAATTTTACCAGCCATACATAGTCATGTATTCTTTATTATCAGTGCGAATCTTTAGAACATCTTTTACATTA
GCTCATCATTGTTCTAATATTTTATGATTCTCAACCCTTGATTTTCTTCACTATGAGCACACCTTTTTTTCTTC
CTGAGATATCCCTGCGTTTGAGTTAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1016 FJ194966|Gossypium hirsutum E6-1 protein kinase (E6-1) mRNA, complete cds

ACTATACACACAACACAATACAACACAACACAACACACAGTTGAAACAACACTCACACAATACCTTTTATCCCT
CTCTTAGCTTGTCTTAGCTTCTTCTTTCAAGCCAAGCCATTCATGGCTTCCTCACCCAAATTATTCATTCTATT
CTCATTCTCACTCTTCTTTTATTCAAATCCATGCAAGAGAAAGCAAGTACTTCTTCAGCAAAATACCCAACAAC

AATGTTGACAACAACAACAACAACCTTTGATGCCAAAGAAACCCAAATCCCCAACGACGAGAATGTTGATC
CTTTAACAATCCAGAAAAAACCACTTCCCCACAAGATCAGCAGCCAAATTTTCATCCCTCAAACCCAAGAC
AACGGCTACGGTCTATACGGTCATGAATCCGGTCAGCTCCCCCTAATTCGACAGCAAATTTCTCCGACAA
TAGCCGCGAAAACGGCCGCTCTTTTACCACTACCACCACCTACGACAACAACGATAACAAATTCAGAAACGAT
GTCGTTTCTAATTACAAATCTGAGTCAGAAGAGTACTACAACTACGAGGACAACAACAACAACAATTTCC
AACTTTTGAATAGCAACTCGAAGCCATACGAGAATTCGTTTTACTACAACAAGGATCTTTACGACAACGG
ACGACAAAGCTTCCAAAACACCCGCCTTTCCCGAGATGATTACACTACAACCTCTGTACGACCAGGGAAAAT
ACGACAACCTTCTACAACAGCAACAATGGCGGCGGCGACAACAACAACAATGGGAATAATATGGTACGACAAG
GAATGAGCGACACGAGATTCATGGAGAATGGAAAGTACTATTATGACCTCGACAGGGAGCCACACCATTACA
GCAGATCCAGGGGCTATTTGCGGAACAACATCAACAACAACAACAACAGGAATTCATACGAGTACGGTAATT
CCATGGGAAGGTATCAGAATCAAAATGATGAAGCAGAATTTTCAGGAGGAACCCGATGAGTTCGTGCCATAAA
TGTTGTTCCACTTCCAAAATAAGAGAAAAAAAATCATATATTTAATTTAGTTGTGCATGCAAACCTCTATATCT
CCTTCTCCCCAAGTTTACGTTTGCTAAATTCATTCATATTTAATGGTGCTTCTTTTTCACAAAAC

>trans_s_1017 NM_180844|Arabidopsis thaliana ATGB1 (ARABIDOPSIS THALIANA GTP-BINDING
PROTEIN 1); GTP binding (ATGB1) mRNA, complete cds

TGATTGATGCTGCTTGTCTTCAAAATTTGAAGATTCCAAATCTGCACTGGAGAAAGTTCTTCGACATGAGGAT
TTGCAAGGAGCTCCACTTTTGGTTCTAGCAAACAAGCAGGATCTTCCGGAAGCAGTATCAGCAGAAGAATTT
CTCGTTATCTCGATCTTAAAAAGTTGGACGAAAGAGTCTACATGTTTGAAGCTGTTTCTGGTTATGATGGGATG
GGGATAAAGAATAGTGTCGAATGGTTGGTGGATATAATGGAAAGAAGTAAAAGAACCGAAATATTGAGAGC
TCGAGCAGGTGGGGCTGGTCTCCGTTCTGCTTAGATCAAATATGAAACAATTATAGTTGGTCTATATTTCTTCC
ATAAACTTGTGGACAAACCAGGTTCCATATTAGATCCTCCATGCTTTAGAAAGCTAGGTTCCCCCAGTACATCT
GATTGCCTCACTCTACATCTTTTGAAGTGCGAAGAACTACCAAAATCAAGCTGAAACACTTCATATTTGCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACCTAA
ACAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGCCCCGGAACCCAATCCCCCAAAAGGGAGCCAAATAACCCCCCCCCA
CGGGCCGCTTTTAAAAACGCCGGGACGGGAAAAACCCGGGCGTTCCCCAACTAAACCCCTTGCAACAAACC
CCCCTTTCCCAGCGGGGAAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCCAACCCCTTCCCCAACATTTGCCACCCGAAAG
GGCAAAGGGAACCCCCCGGAACCGGCCATAAACCGCGGCGGGGGGGGGGTAACCCCCACCGGGACCCC
AACCTTGCCAGCCCCAACCCCCCCCCCTTTCTTTTCTCCCTTCTTTCCCCCACGTCCCCCGGTTTCCCC
GTAAAGCTCAAAAACGGGGGCCCCCTTAGGGTCCCAATTTAGGGCTTTACGGCCCCCAACCCCAAAAAACT
TGATAAGGGGGAGGGTTCACGTAGGGGGCCACCCCCAAATAAACGGTTTTTCCCCCTTGACTTGGAAGCCC

>trans_s_1018 AB041515|Nicotiana tabacum NtElG-E80 mRNA, complete cds

ATAAGCCGGCGTTGCTCTGTTTCTCTATTTATAGTTCTTTCCTTGAATATCGTAACAACACTCATCTTTCCTT
CTTTTTCTCCACAATTAATTCCTTTTTTTTTTCTTTTTATATATATATACACAAAAACAAAACCCCTCTCTCA
AATTCCTCCCTCATATTTATATTCTTAGCCACACACAAACATCGTCTCTATATTCTCAATGGCTATCCCCAACA
AATTGGCTTTCTCCTTTTCATCTCATCTCTCTTCGTCTCTGCAGCCTTTGGGGAGATTGTGTGTGAGGAATTGT
CCGTGGATGTTTGTGATTCTCAATAGCCTCATCGGGAAGAGATGTTTGTGGAGACATCAGAGACGAAAG
AAGGAAAATTTGAATATCAATGTAGAACCTCTGAGGTTATGGTTGAATGGATGGCTGATTACATTGAGACTGA
TCAATGCATCAATGCTTGTGGCCTCGACCGCAACTCCGTTGGTATCGCCTCTGATGCCCTCTCGAGCCTCAAT
TCACTGCCAAGCTTTGCTCCCTTCTGCTACCAGAAATGTCCCAACATTGTTGACCTCTACTTTAACATGGCCG
CAGGAGAAGGAGTATTCTTGCCCGACCTTTGTGAGAAACAACGTACGAACCCACACCGTGCCATGGCAGAGC
TGTTGAGCTCCGGTATCGCCGAGCTCCAATGTCGTCAGCAGAAATCAATGCAGTATCCCGGCAGCAGAAGC

CCCAGCTCCGATGTGAAAAGAAAGTTAATTTTCATTATTTGGTTGGTTATTGTTTCTTCATTATTGTTAATTTAATT
TTCCTTTGTATACACACACACACACAGCTGAGGAAATAAAATAGAATGGGTAAATGGGTTGTGAGGGAGA
AATTAACAAAAAACGAGTGAATTTCTTTAAAATTCATTTTATTTTGATATCACTATACGTGAGACGTGACGAT
GTATTTACGTCTTTTCCATATACTATTTTCTTTTCAATATCCCCCACATATATATACACATAGAGTGAGTTG
TGTAATAAACGTTGTTTGATTATTTTGTGTTTATTATTTCTTCTCCAATTAATCCATTGACTCTAAAGACAA
GTTGCTGTATAAGAAAAATACCGATCAAATTAACCTGTACTGTTTTTGTGTTT

>trans_s_1019 X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

CATAAAGGTTCTGGTATGAAAGTTTCCATCAGACACCTTGGCCCCTCTATGATTGAGCAAATGCAGCATCCTTG
TAATGAATGCAAAGGAACCGGTGAGACCATCAATGATAAAGATCGCTGCTCACAATGCAAGGGTGAAAAGGT
TGTTGAGGAGAAGAAAGTTTTGGAAGTTATCGTGGAGAAGGGTATGCAAATGCACAAAAGATTACATTCCC
TGGTGAAGCAGATGAAGCGCTGACACTGTTGTCAAAGCGCCACTCCCACTTCGTGGTGTTTGAGCACCCC
AGGTTTAAGAGAAAGGGTGATGACCTCTCGTGGAGCATACCTTGTCTCTCGTCGAGTCTCTTGTGGTTTCCA
ATTTATTCTGACTCATTTGGATGGCCGACAGCTACTCATCAAATCACTTCCCGGCGAAGTAGTGAAGCCTGACC
AATTCAAGGCCATAAACGATGAGGGCATGCCTATGTACCAGAGGCCATTCATGAAGGGCAAACCTTACATTCA
CTTCAGTGTGAGTTCCCAGACTCCTTGAACCCCGAACAATGCAAGGCGCTGGAGGGCGTTCTTCTCTCCAGG
ACCTCGGTGCAGCTCTCAGATATGGAGTTGGATGAATGTGAAGAGACCACTCTTCACGATGTCAACATTGAAG
AGGAGATGCGCAGGAAGCAAGTACAAGAGGCATACGATGAAGATGAGGATATGCACGGCGGAGCACAGAG
AGTGCAGTGTGCTCAACAATGATCTCGATTAACTTTGGGGGAGGAGTGGGGCTACCGCCGTAACACATTGA
TTGATGGTTTTGACATTGTGAAAATTTTCAGAGAACAACAATGGAGGAAATGGATCTCTACCAACAGCAGCA
CACCACCAGGCAGGAGCAGTCATATCATATCTCATATCCAAATTTTCTCAATAAATAGATGAATTTTATTTTCTA
ATTCAGTCTGTAGGATTACGAAGTAAGCTTTCTGGATTTTTATGTTTTGTTTTTTTTTTTTTATTATGTGCTAT
TTTTCTTCTAGCTTTACCAAGAATTCAAAGATTATGTATTGGAGTTGCAGATATAAATAGGATTTGATTGGGA
AACAGAAAGATCTTTGGTTCTTTCTGTGAACTGTGGTTTCAAGTGAAAACATCCTGGTTAACTCTAC

>trans_s_1020 NM_127633|Arabidopsis thaliana lumazine-binding family protein (AT2G20690)
mRNA, complete cds

AGGATTTTCAATTCCAATTTCTCACTCTCTACTTGCAATTGAAACAGAGTTTGAAAGAAATGTCTACTTTTTCTTCC
CTCTCTACTGCTACAGCACTCTCCAATATCCCCAGAATGCTTCTCCAATGGGGAATCTTCATCTCCCATCCTCC
CAATTTTCCCCAATTCAATTTCAATACCAAAACGTCTCTTTTCACTCTATTCACTTCCACCCACAAGCCCCAAC
TTTGTTACAGATCTCGCCCTAGGGCCTCCGTTCAATGTCTTTTCACTGGCATTGTTGAAGAAATTGGCCATGTTA
AAAATTGGGTATTGGTGAAAATGGGGGATATGATTTGGAAATTAATGCAAAAATGTTCTTGAAGGTGCTA
ACCTTGAGATAGCATTGCTGTCAATGGAACCTGTCTTACTGTCACTGCTTTTGACCACCAACTATCTGAATTCA
AGGTGGGGTTGGCGCCTGAGACGCTTAGGAAGACTTCATTGGTGGAACCTCTCGCCTGGTTCACCTGTGAATTT
GGAGAGGGCGGTTCAACCAATCAGCCGAATGGGTGGCCATTTTGTGCAGGGGCATGTGGATGGGACTGGGG
AGATAATATCTATGGATCCTGAAGGGGATTCCCTGTGGATTAAGGTGAAGACATCAGAGGCTTTGCTGAATTA
CATTGTACCAAGGGATTTATTGCTGTGGATGGGACTAGCTTGACTGTGGTAGATGTTTTTGATGATGAGAAG
GCTTTTAACTTCATGTTGGTTGCTTATACTCAAAAAATGTGGTCATTCCGTTGAAGAAAGTTGGACACTTGGT
GAATTTGGAGGTAGATATTCTTGGCAAGTATGTGCAAAGACTCCTCAGTAATGGTGCCATCAATCCCATGAG
TCTACATGATTGCAAAGCCTGGAGGGAAATCAAAAAGGTCTCAGTAGTTGCAATCTCAATCTTCTTCTGCATAA
AGTTTTTCTCCTGCCTGGTTATGTTTTTAACCATCATCAAATTTGAGACTGGGAATGAGTAAATGATCTGATGTT
CTACTGTCTTATTGTCTTGTGCTCTGTGTTGATTAAACACGGTTAGACGAGGTGACTACTTGTATTATGAATT
TCAACCTTTTCTCAGGGAAGTAAGGCTTAATACGTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1021 AB018441|Nicotiana tabacum phi-1 mRNA, complete cds

AATCTCTCTATCATTTACAATGTCATCTTCTTCTCCATTTCCCTTCTTCTCATTCTTCTTCTCACTCTCTTTTTTC
CCTTCACTTCTTCTCCTCCTCCGCCGCCAGAAACCCATCTTTCCTTCTCCATTCCCACGGCGGACCTCTTCTCTCC
GGCAACATCTCCCTCACTCTCATTTGGTATGGCAATTTCAACCTTCTCAGAAAGCCATCGTCATCGATTTCCCTC
TCTTCCCTTTCTTCTTCAAATCTATTCCCCCAAACCCCTCTGTTTCCAATTGGTGGAACTCTGTTCTCAAATATCA
TACCATTTCCAATTTCAAACCTCTTCTTCTTCTTAGCCTCTCAAATCCTCGACCCCAATTACTCCCTTGGCAAAT
CCCTTACCAATTCCCACATTCTCTCTCTCGCTTCTAAAGGCGGTCACAGAAATTCAATCAATCTCGTCTTAACTG
CCGCCGATGTTACTGTGCGACCGATTCTGTTTCAACAGATGCGGCTCCCATGGATACTCTCACGGAGCTCCCAT
AATGGGAAGTCCTACAAATTCGTTACATTTGGGTGGGAATTCCCAAACCCAATGTCCGGGTTACTGCGCTT
GGCCTTTCCACCAACCATTGTACGGTCCACAGACTCCGCCGTTGGTTGCGCCTAACAATGACGTTGGGATGGA
CGGCCTTGTCATTAACCTTGCTGCTTCTCGCTGGAAGTCCACCAACCCCTTTGGGAATGGGTTCTATCAGG
GCCCTAAAGAGGCTCCGGTAGAGGCAGCGTCGGCCTGTACCGGAATCTTTCGAAAGGGTTATTATCCCGGAA
TTCCTGGGGAGCTTCTGTGGACTCGGTTACCGGTGGGAGTTACAATGCGAACGGTGGGAATGGGCGGAAAT
ATCTTCTTCCGGCGGTGTTTGATCCCACCACTTCTGCTTGTCTACTCTCGTTTAATGCTTAAACAAACGGCGTA
TTCGATCATCGGCATTTCAAGATCAATTAGATTCAATTCGTTTATTCAATTTAAGGACTTTTTTTTTTTTGGTATA
TTTGTTTCATACTGCAGACGTTATTATTATTTGTAAATGGTAAGTTAACCACAATTTTATTAATTAACCTTTAAAT
AAAAACTCATTTAACTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1022 NM_001057250|Oryza sativa Japonica Group Os03g0633900 (Os03g0633900)
mRNA, complete cds

AATCAACTAACACCTTTCTCAAACCTCGCCCAAAAGTTTGGCGCGAAGAATAAAATACAAGTCCAAGATAA
GAGCGAAATCTAGAGCGATGGTAATGGCGTTGGCGTTAGAGCAAACCTAACTCTTCTTCTTCACTCTCATCA
AAGAATTCTATCTTCTCCATCCCTAGAAACCAATTACGAATCTCTTCTTCTTCCCTTTTCACTCGTATCTAAACC
CTCCTAAACACCTCCGTTTCGCTACTCGTTTCCCAAATGCTCGGCTATGGAAAACCTACCAATTACTCTGCTG
TAACCTACCCCAAACCTTCCGAAATTCATGGAAGAAGGAGCTTAGTAACCTCGGTCACTCTCATTGGGACCGTT
GGTCTGCCTGTGGAGCTCAAGCACCTGCCATCTGGCAAGGATGTGGCTTGGACGCGACTTGCTGTTTGAAG
TCTTCTACTGAAACATCTTGGATAAGTTAACATTCTGGGATGAATTGGCACATATTGCATCTCAGCACGTCCA
GAAAGGCAACCAGATATATGTATCTGGTCGGCTGGTAGCAGATTTAGTTGAAGCTGATGATGGGAAACAGCA
AACATACTATAAGGTAGTGGTTCAGCAACTGAATTTTATAGAAAGAAGCAACTCAACAGCACCCCATACGAC
CAAGATTCTAATTCATAATGGCAGGGAGAAAGCCCAGCAGTGGTGCTGTTGATAACACAGCGTCCACACAA
GAACTATGGCAAGCATTCTTGTCTAATCCCGTTGACTGGTGGGACAATAGGAAGAATAAGAAGAGCCCAAAA
TATCCAGATTTTAAACACAAGGACACTGGGGAAGCCTTGTTGGGTTGAGGGCAGGTATAATCCACCTTGGGTG
AAGTCTCAGCTTGCATTATTGGACATGAGAATGAGTTCTTCTGATGATCAGGAAGTCAAAATGACCAACTTTGT
ATCTAATTTTGATTTCCATCTTATTAACTGACCTTGGATTGCTTTAAATTTGTTTCCAAGAGGGTGTCAAATT
ACCACCCTAGGGTGTTCATTTCCAAGAGGGTGTTCGAAGAGGGTGTACCAAATATATTGGAAAGATTCTTT
TATGATATCTGGCTTGATAGTTTGTAATTTGGTGTATTGTATATTGGTTGTTAGAAATTCAA

>trans_s_1023 AY022217|Oryza sativa microsatellite MRG4542 containing (TG)X14, closest to
marker R2708, genomic sequence

TATGTTGGAAGTCTGGATTTCTTTTACAAGTTGTTAAATTTCAATTTCAATTTTCTTCTCTGTCATGATTTATGTT
GGCACTCTGGATTTCTTTGTTGTTGATCTTTGTGATCAATTGTGTTATTGATGTTCAATTCTGGATTTCAATTTGAT
TTTTGTTTCTCTGTCATCATTTATGTTGGAAGTCTGGATTTCTTTTACAAGTTGTTAAATTTAATTTAATTTTCC
TTCCTCTGTCATGATTTATGTTGGAAGTCTGGATTTCTTTTACAAGTCTCTTCTCTGGATTTCTTAGTTTAAATTT
CAATTTGTTCCATTGAATTTCAATTTTGTGCTGCTGTGTACTTGTGTTGAAAAAATATTCTGCCTACTCTGTACAG
GGTTTACTGCTTTTCTCAAATCCCTATTTTATGGGATTCTTCTTGTACTAACTAATTCTGTATACCTATTTA

TTACTATATATTTGGATGTCCTCACAGCATTACATGCCCCATTCTCTCCCGTTTTCTTATACTTTGCAGTCCCCTT
TGGTATGTTTATAAGATTTGTTTCCTCTAATTGCTTTTCATTACATTTGCCACTTTAGCCACTGTTTTCACTACTTT
ACGATTGAATAATCTTTAATCTAATTTTTAAACCACACTTGTTTGTTTTTACAATTGCCACTTTTCCTATGTGC
TTGAAATTTTTCGTACCTAATTTTTTTTTACAAAACAAATATGGTTGTTGTAGTTTGATTTCTCCCTATGGCCTCT
TTTTGGTGTGTAGTCTGTTTTCTCCTATGGTTTTTTTTCCCTTGCGCACTGTATTCTCACACTCCCGACGTTTTT
ATGAACATGTTGATCTCTATTTTATGTCTCTCGTTGGCTGCTTGTTTTTACATGTGATGTTACGAAGTCCACCG
CACTAAATTGTACCATAAATGCGTTCTCTTGAACGTCTTTGATGGTATTTATTAACCTCTGAGGCAACTTTCTTTC
CCATACATTATGTACTAACACTTTTTTTTGGTACGGTCCCATGGATTTGTAAGCTTTGGTTTCTTTTAAAGTAGT
CCTACTTAAAGAATTCGTAATTGAGGTACAACGGCTTTAAACCTCATTCAATTTATGAAGTTTATGTATATGTCCT
GTAATGAATTCTTTCTTTCTTTA

>trans_s_1024 XM_002884770|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glyoxalase 2-2 (GLX2-2), mRNA

CAATTTTAGTCATCCAGAGCCTGACTCATCGAATTTAGGAGATTCTAGACGTTGCATTCAAGGAGATTTTTATCC
GTTGTGCGCGACTCTCTTACTGATCTACATTGTACTTCATTGCTGAACCAACGAGTCAACTCAATCGTTTCTA
GATTTGGAAGAATCTGCTTCAGCGACGATGAAAATCCATTACATTCGTTGCTTGGAAGACAACACTACTCTTACCT
GATCATTGATGAGAGCACTAAAGAAGCTGCGGTTGTTGACCCTGTAGAGCCAGAGAAGATTGTGAATGTTGC
TAATGAACATGGCGTTCATCTCAAGCTCGTCTTACCCTCATCATCACTGGGATCATTCAAGGGGGCAATGAGA
AAATAAAGCAGCTGGTTCCTGGAATTAAGTATATGGTGGTTCATTGATAAGGTTAAGGGTTGACTGATGC
AGTGGAATAAGGTGATAAGATAGCTCTTGGTGCTGATGTTGTTATATTGTCTCTTCATACACCTTGCCACACCA
AAGGGCATATAAGTTATTATGTCTCTGGCAAAGAGGGTGAGGACCCAGCTGTATTCACCGGTGATACACTGTT
TGTTGCTGGATGCGGTAAGTTTTTGGAGGAACAGCAGAGCAGATGTATCAATCTCTATGCGTCACATTGGGT
TCATTGCCAAAGCAAACACGTGTGTACTGCGCCATGAGTACACAGTGAAGAACTTGACGTTTGCTCTGACAG
TTGAACCAGACAACGAGAAGATAAAAGGTAAGTTGTTGTGGGCTCAGGGCCAGCGACAAGCTGGACAAGCC
ACCGTTCCTTCTACCATTTGAAGAAGAAATGGAGACAAATCCTTTTCATGCGAGTTTGATCTTCCACAAATTCA
GGAGAAGGTAGGTAATCATTCTCCAGTTGAAGCTATTAGAGAAATCAGGCGGCTTAAGGACAACCTGGAAGG
GTTAAGTTGACTGATACCAAACGCATGTCATAGTTTTGGGGTTGCAATCTTGTACGCAGGTATAGCACTTCG
TAATATCAATAATAAAGCTTAAAAACACTGCGGATGATTGTGGTCTTAATTTGGGGACACAATCCCTAGAAATT
AAAGCTTGCCTGGGTTGCCTATACACTGAATACAANGTGCATGTGCAACCCTATCTCTCTCAAATGT

>trans_s_1025 NM_120161|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT4G39970) mRNA, complete cds

GGAGCATTCCCCGCCACAAAACTCCGACACCGTATCGCTCACCATCTCTGAGGAATGGCGAGCATCGCTACA
ACGCTCGTTTCGTCCCAATCTCATACCCTCTTCTCCGATCTGGTTTCCCCTTCTCTCCGTCCATCCCTTCTCCCTC
GGCCATCCGCTTCCGGACCTTCAGAAAATCCACCACTCACAACGTTTCTCCCTTTCAGTCTCAGCTGCTTTACA
AGCTCTAATATTCGACTGCGACGGCGTGATCCTTGAGTCCGAGCACTTGACCCGCCAAGCATATAACGACGCG
TTTCTTCACTTTGATGTTTCGTTGCCCTAATTCGACGTGCGAGCCTCTCAACTGGAGCATCGAGTTCTACGACGA
GCTCCAGAACCGCATTGGTGGCGGTAAACCTAAAATGCGATGGTACTTCAAGGAGAACGGATGGCCATCTTC
AACGATCTTCGAGAAGGCTCCGGAAGATGACGAGGAACGAGCAAAGTTGATTGATATTCTTCAGGATTGGAA
AACGGAAAGGTACAAAGAAATAATCAAATCTGGAAGTGTGAGTCCCAGGCCTGGAGTACTAAGATTGATGGA
TGAGGCAAAGTCTGCTGGCAGGAACTTGCTGTATGCTCTGCCGCTACCAAAAGTTCAAGTTATTCTTTGCCTTG
AAAATCTTATTGAAATGATCGGTTTCAAATCTTGATTGCTTCTTGCCGCGCATGATGTGAAGGAAAAGAA
GCCTGATCCATCCATTTACAAAACAGCTTCAAAGAAGCTGGGCGTGTGCAAAAAGATTGTCTGGTGGTTGAG
GACAGTGTCAATTGGCTTGCAGGCTGCAACAAAGGCTGGAATGCAATGTGTCATAACCTACACGACTTCCACAG
CTAACCGAGATTTTAAAGAAGCGATAGCAACCTATCCAGACTTGAGTGACATAAGATTGAAGGACTTAGACTC

CCTACTACAAAATGTTGCCACTACGAGATAGAAAGTTGTTCCACAATACTGAATTGATTAGATATCAAGGAGCTT
CCATGAATTTTTTTTGGCTGCTGATATTGTTTTGGCATTTCACAATGTACAGGTGTACATGTATTTTTGAATGGC
AAGATTTAATACTATATAAATATATTTATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1026 DQ083548|Citrus sinensis pyruvate kinase mRNA, complete cds

AGAAGATCTTCTTGGCACAAAAAATGATGATATACAAGTGTAATCTTGCTGGCAAGCCTGTGGTTACAGCTAC
ACAGATGCTTGAATCAATGATCAAATCTCCACGGCCAACCCGTGCAGAGGCTACAGATGTCGCTAATGCTGTT
CTTGATGGCACTGATTGCGTTATGCTTAGTGTTGAGAGTGCAGCTGGGTCTTACCCTGAAATTGCTGTAAAGA
TCATGGCTCGTATTTGTATTGAAGCAGAATCATCCTTGGACTATGGTGTTGTTTTAAGGAGATGATAAGGGC
CACCCCACTTCCAATGAGTCCATTGGAGAGTCTTGCTTCCTCAGCCGTTGAACTGCTAACAAGGCAAGAGCA
AAACTCATCGTCGTGCTGACTCGTGTTGGAACCACTGCCAAGTTGGTTGCTAAGTATAGGCCAGCTGTTCCCA
TCCTCTCAGTCGTGCTTCCAGTTTTAACTACCGATTCTTTCGATTGGACTTGCAGCGACGAATCCCCAGCCAGA
CACAGCCTGATCCACAGAGGCTTGATTCTATATTGGCTGAAGGATCTGCTAAGGCCACAGATGCCGAATCCA
CAGAAGTAATACTTGAAGCTGCACTGAAATCCGCTATGGGGAAAGGACTGTGCAAACCTGGGGATGCCATTG
TCGCACTTCACCGAATTGGAGCTGCCTCCGTCATCAAGATATGCATTGTGAAATGAATCAAATAACAAGCAA
ATTCGGCATCTGACTCCTTCATCCAGAAGTTGCTCAGGTGCATCCTTATCTTTATATAACTTTGCAGTCTGGTC
TCGATCTATGCTTTTGCTATTTATTATATAAATATAGTTATTTTTAGTATTTACCTAAAGAGGGTTGAACTAGT
AATTTTGATTTTCTTGTGTGAAAGAGGGGTGGATATCCCCTTGAAATTTTTTTGGACTGCTTATTGTGTGACC
TTAAAAAGTAGGGGAAGTAAGAATTTGAAACAATCACTTTCATAAACTTTTGTCTTGAAATCCCCAAATTT
TGTGCCCTAATTTTTGTTTTTTGTAGAACTCAAATCCATTTGTGTACTCTCATCATGTGACAATCTGAAACA
GATCCTTTGGATGGATTTTGTATATGAGTTTTATTCATAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1027 NM_112733|Arabidopsis thaliana AtCASP (Arabidopsis thaliana CCAAT-displacement
protein alternatively spliced product) (AtCASP) mRNA, complete cds

ATGGTGCTGTAGTTTTTAGTTCATCAGTAGGTGGAAGGAAATTATTTTTCTCATATCATTTAGTGCGATTCTTAT
GTCATTTTCTTTTCAGTTAACTTTCAGAAAAATCATCTTGTCTGGATACAGCTGAAAGCAAGATAGCTGAAC
TCACAGAGAAGGTTGTTGAACAACAGAAGTTATCCAGAAGTTGGAAGAAGACATTTTAAAGGGTTACAACCTC
CAAGGACCAAAAAGGCAGTTTATTTGATGAATGGGATCTTCTGAGGCAAGGGGTGAGCTTCTGAGAATGT
AGATCGAAAACATTTCCCATTTGGATCAAGATCAAAGCTCAATGCTAAAAGTAATTTGTAGTCAGAGGGACCGT
TTTAGAGCTCGTTGCGAGAGGCAGAAGAGGAAATAAGACAATTGAAGGAGAAGATAGGACAACCTTACAGT
TGATCTAGAAAAGACAAAAGCTGATAACGTCAAATTGTATGGAAAGATACGTTATGTCCAGGATTACAACCTT
GAAAAAGTAGTGTCCAGGGGATCAAAGAAGCATGCAGAGGATCTCGAAAGTGGTTCAATGTCCGATGTTGAA
TCTAAGTATAAAAAAATATACGAGGATGATATAAAACCCATTTGCTGCGTTCTCCAGAAAGGAAAAGGATCAGA
GGTACAAAGAGTTGGGCTTCAGAGACCGGATCACACTCAGCAGTGGGCGATTTCTTTTGGGGAACAAATATG
CCAGAGCTTTTGCACTCTTCTACACAATCGGGTTCATATTTTGGTATTTACATGTCTTTACAGGATGTCAGCAC
TGAGCCATCTAAGTAATGGTCCTGAGGAATTTCTTGTTGGAGATAAACATGTAAACCTCCCACACGCACTTTAA
TCTCCTTGAATTTTGGTTTTATCAAAGTTACTGATAAGGTCAGGGATACAAATCACTTTTCATTACAGAATGTA
TATGAATAATTCATAACGTAAAAAAGAAAAAAAAAAAAATCTCTTTTATTACTGTATAAATGCCCATCGAATGTA
GTACTGGCTCTTTTTTCTTTCCCTTCTGTTTCAAGCGATCTATTTTTTGGTAAAAAGTTGTTCATACAGTCTA
TTTTTATTTCAATTGATCAAATTTTGGATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1028 NM_106200|Arabidopsis thaliana ATP-dependent protease La (LON) domain-
containing protein (AT1G75460) mRNA, complete cds

ATACAGTCTCTCTACCAAACAAGCAAACAATTTTGCTTCTCCTTTTATCTATAACACTTTTTTTTTCTTCTGTGA
AAACACTGGCACCTTTTCAATGGCTCTCCCTCAGCTCATTCTTCTTCTCCTCTTCTCTTTATCCATAAACCCA
TTTTAAACCCCAACTCCATTTCTCTTCTTAATCCCTAGCCCTAGATTCTTCTCTCCCGCCTCCGCCGCCGCC
CGCCCTTTTTCGCCATCGCCACCACAAACCCAATTCCTCAAGTGTTCTGCTTCATCTTCCCCGAAAAACATCA
CACCGGCTCTCCTAAATCAGACGATGTTGTTGAGCTTCCGCTTTTTCCCTTCTCTTGTCTCTTCCCTGGCGCT
ATTCTTCTCTGCAGATCTTCGAATTCGTTACCGGATGATGATGCACACTCTACTCCAAACCGATCTTCGCTTT
GGAGTTATTTACTGATGCAGTTTCCGGTACCACGGATGTTGGATGTGTTGGTGAGGTTGTTAAACACGAGC
GTCTCGTTGACGATCGATTCTTCTTATTTGTAAAGGCCAAGAGCGGTTTCGAGTCACTAATCTTGTTCCGACG
AAACCGTATCTTGTTGCTGAAGTTACATGGCTTGAGGACCGGCCGTCCGGGAATGGTGAAGAGGATTTGGAT
GCGTTGGCGAATGAGGTAGAATCGTACATGAAGGACGTGATTGCGATTGTCGAATAGGTTGAGTGGTAAGCCG
GAGAAAGAGGTTTCAGGATTTGAGAAGGAATTTATTCCCAACTCCTTCTCGTTCTTCTGTTGGAAGCACGTTTGA
AGGTGCGCCGAGAGAACAACAAGCGTTGCTTGAATTGGAGGATACGGCGGCGAGGTTGAAAAGGGAGAAA
GAGACATTGAGAAACACTCTTAATTACTTGACCGCTGCTTCTGCTGTTAAAGATGTATTTCTTGAACAGTTG
AAAGACAAGTTTGAGAGGTTTCTATCGAAATTCAAAACAGATTGAGCTAGATCGTTGAAGCCCAAGGAAGCA
AATTGAAGGTAATGCTTAAGTTTTGCTTGCCTTTACACGTACTTTATACAAGGGATGGATGTTATTAAAGCTGT
AAATTTTGATATATAATTGAATTTGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1029 XM_002881811|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein phosphatase 2A-4 (PP2A-4), mRNA

TCCGAAACTTTGACCGTGTTCAAGAGGTTCCCCACGAAGGCCCAATGTGTGACCTATTATGGTCTGATCCAGAT
GACCGATGTGGCTGGGGGATTTACCTCGGGGTGCTGGGTATACATTTGGCCAGGACATATCTGAACAATTCA
ATCACATGAATAATTTAAAGTTGATAGCTAGAGCTCATCAACTTGTCATGGATGGATTTAACTGGGCTCATGAA
CAAAAGGTGGTTACTATTTTAGTGCGCCGAATATTGTTATCGCTGTGGGAACATGGCTTCAATTTAGAGGT
TGACGACTGCAGGAGTCATACATTTATCCAGTTTGAGCCAGCACCCAGAAGAGGAGAACCTGACGTCACCCG
GAGAACACCAGATTACTTCTTATGAAGCAGCTAAGTCGAATCCTTCCCATGTATACCGTAATGGGTTGTGTGGT
TGTTGTAGGCGAAGAGAACCTGTGACATATGCTGCCATGCGTTGATGATTTTGCCTGCGAGCGAGACAAGA
ACTTTTATATAGAAAACCTCTGATTTGTATTTGAAGATCAAGACATCCTCGAGATTCAAAGATACTCAACTTT
CTTCTTCAACCACTTCGGCTCATTTCTCATAATATGAATATCTCAAGTAGTTTAAATATTGTTACAACACTTTCT
CTATTGTAGAAAATTATTATAGTGCTGGTGTGTTAATCATGTACTAGGTGTAAGTTAGTTTCTGTTATGTTTT
TTTTCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAAAAAGGCTGTTAAAGTTAGTGGAATTGCTACATTTTATTTTTAAG
AAAATTTTAGTATGATGCATAATTTTGAGGAATGTGGCTGTGAGAATTTTAAAGGAACTAAACAGCCCTTTC
ACTACCATTAGGCCAAGCTGGGTTTGATTTTAATTTCCGTTTCAGTCCGGGGATTTTGTAATTTAAATCCTAC
ACTTTGGACCAAGTGGAGCAAATAATTATTATTGCTATGTTTGTGAAATTTATAATTACGGATGGACGT
CTCTGTAACCAACCTAATTTCTGGATTTGAACATTTGTTGCTGAGATTTTCAATCTTGAATAGCCTTATACT
TTGGCTAATTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1030 AY775334|Capsicum annuum RING-finger protein (RFP1) mRNA, complete cds

CTCCACTGTTTTGCTTCAAATCCGCCATTGAAACCCACCTCTTCAACCCCTCCAACCATTTTATTCTCTTTCAAGA
TGCTTCTATTTCCATCTTCTCCCGCTGAGACATTTTCGTCTTCAATTCCTACACGCTCTGCAGTATTTAATTAG
GAGGTGTATACTTTCTTTTTCTTTAGACTTCTTTGTTCTGCTTGATGGGGGCCAAAAGTTCAAAGGAGGCCTC
GCCGTATCGTTCAACTTCTTCTCCTCATGGGGTGGTGGTGGTATGCTCAATCGTCATATGGACATGAGACCC
CAAGTTATGTGCCTCAGCAATCCTATCCTTCTCAGCAGTATTATACATCCTCTCAAGAGTGCTATGGGAATGTT
GATAATGGCAGGAGGTTGGATAGAAAATACTCGAGGATTGCTGATAATTACAATTTCTTAGAAGAGGTAACA
GAAGCTCTTGCCTGCTGGCCTCGAGTCTTCAATCTTATTGTTGGCATTGATTTACCAAGAGCAATGAGTG

GACAGGCGCAAGGTCGTTTAATAGACGAAGTCTACATCACATTGGAGACCAGCCAAATCCTTATCAACAGGCA
ATATCAATTATTGGAAAGACATTAGCTGCTTTTGATGACGACAACTTAATTCCCTGCTTTGGGTTTGGAGATGC
GTCAACTCACGATCAAGACGTCTTCAGTTTCTTCCAGAAAGAGGAGAGGTTTTGCAATGGATTGAAGAAGTA
TTAAGTCGTTATCAAGAAATTGCCCCACATCTACGACTTGACAGGTCCAACCTTCATTTGCACCTGTTATTGAAATG
GCCATGACCATTGTCGAGCAGAGTGGTGGCCAGTACCATGTTTTGCTAATAATTGCAGATGGACAGGTGACTA
GAAGTGTAGATACAGAACGTGGGAGGCTTAGTCCTCAGGAACAGAAGACTGTTGATGCCATTGTTGAAGCAA
GCAAGTTCCCTCTCTCGATTGTTTTAGTTGGAGTTGGAGATGGCCCCTGGGATACGATGAGAGAATTTCGATGA
TAATATTCCATCGCGTGCATTTGATAACTTTTCAGTTTGTAATTTACGGAAATTATGTCAAAGAATATACCCTC
ATCTCGGAAAGAAACCGAGTTTGCTCTGCAGCATTAAATGGAGATTCCCTCCCAGT

>trans_s_1031 BT010629|Arabidopsis thaliana At5g51960 gene, complete cds

TTACTATTTCTCTTCCCTTAAACGACAATTATCCATTTTCTACCCGACATCAATTTTGCTCTTCCTCCGGCGG
CGCGACACTACCCACCTGCGTCGACGGGTGCGAGCGACCTTCTGTGCTCTGCGTGATTAATCTGTTTGGATAG
CATCAATGGTCTTTAATTGGGAAAGAAAAAGAAGAGAGGGTGGGGAGGTTCTTCGACCGGGTTGACAGC
ATCCGACGGAGTTTAGCCATCAGCATTCTCCGGAACCTTGAGTTTGTTTCAAGTCCCAGCTGAGTTTCCCTA
GATGTGTGAATCGCTAGTCTAGTTGCTTTTCTGTAGAAGTTGCAGAAGCTTTTCAAAGCAGGCACCATTTAA
GCACATAGAAATTGTTGAGTTTTTGAGTGACAAGAAGAGGCCCTTGAAGACTTGGGGGTTTGAAAATGAATT
CAGAAGCCTTGACGGTAGCTAAGGCCTATCGCCAGCTTCTCAAAGCTGTAAAGAAACATATTGGAAAGGAAG
AGAGCAAGAAGCATTTTGTGGACTATGTGGCTCAAAAGTTCAGGGATAAATCCATACTTTCAAACCCCACTC
TGTTCAACAGGAAATCAAGCTTGCTCGGGATTACACATTTCTACTTAACAGTGTGCACCATCAAAGGACTTGC
TGTTCTCGTACAACATTGCTGTTGATCGTTCAGATGAAATGAAGCGAATATTGGGGAAGTCTGCAGCAAGTGT
GGGGCTTTCACCTCCTGAGTTTATCAACCCTGATGCCCTGTGGTTGTTTGATTAAGAAGAAGCATTTTTTTTCC
CCTATCAAAGAAGAATAAGCACTTCGATGAGCTGCCAACTTGCCAGCAGACTTACATATTGTTGATTCTTCTA
CCTTTTGATGCATCAATTCTATGCGCATGGAAAGAAATGAAGGCTTACTGGACACTTTTATCAAATGGTGAGAT
ATTTCTTTTATTAGTACTCCCGAGGGTGAATCGAAGCATTCTGGGTGTGATGTTTGTTTCATTCCAATTAATA
TAACTTTAATAACGTGAAAAGGAGCTGCTGAGTTTGATGGAAAGCACTTTTACTTCACTTTATTACCATTGT
CCAGAAATAAATGTTACATCTTGAAAGGCATTGAGTATCAGTATGGAGGTTTTTAAATATC

>trans_s_1032 AJ619956|Nicotiana benthamiana mRNA for S-adenosylmethionine transporter
(samt gene)

CTCTTTCTTTGAATGGGGATTTGGCGCGCCGAGTCTCCACTCTCCCAAAGCAGCCGCCAGAAATGAGAGATTC
ACCTGATGTTTTGGTGACGAGGTGAAAGATGCTAAAAATAAGGTCATCAAATTATCTACTGCACTTAATGTT
GGAGACAATGAGGAGTTTGATTTGTACGTTCTTATATGAAGGCGCTATAGCTGGCAGTGTTGCTAGCTTCG
TTATTGAAGCTGCGCTATATCCAATCGATACAATAAAACTCGTCTACAGGCTGTTACGGAGGAGGAAGGAT
TGTAATAAAGGGTCTTTATTCTGGATTGACCGGAAATCTGGTTGGGATGTTACCTGCCACTGCCATTTTCGTTG
GTGTATATGAACCTACCAAGCAGACATTGCTCAATTCTCTCCCTGAAAACCTCGATGCTTTAGCTCATTTAACTG
CAGGTGTCGTAGGAGGAGTGGCTTCATCGATCATTCTGTACCAACAGAGGTAGTTAAGCAAAGGATGCAGA
CTAGCCACTTTGCGTCTGCATCGAATGCTGTCCAAGCTATTGTTTCAAGGGATGGTTTTAAAGGCCTTTATGCG
GGTTATGGATCTTTCTTACTACGAGATTTGCCATTTGATGCCATCCAGTTCTGCATTTACGAACAACCTTAGGATA
GGGTACAAGCTAGCGGCGCAGAGAGATCCAAATGACCCCGAGAATGCTCTAATCGGTGCCTTTTCTGGTGCC
GTTACTGGGGCTATAACCACACCTTTTGATGTGATCAAACTCGATAAATGGTTCAGGGATCAAATAGCCAAT
ATCAAGGTATTCGTGATTGCTGTAGGACTATAATGAAGGAAGAAGGAGCACGTGCCTTCTTAAAGGGCATGG
GGCAAGGGTATTGTGGATAGGATTAGGAGGCGCTATATTTTTTGGCGTTCTTGAAAAACAAAGCAGATGC
TTGCTAATCAGAGGCATCCGCTGCCTGAGAAACCAATCCAATCGCAATGATATGATTACAGTTCATCTTAAG

GGTCCCACATTATCATTTTCGTATTTAAATCCTAAGAAAAATGATATAACTTTCCATTTTCATTTGTTTGATTGCA
CTTCGAAATAATAATAGTTTCACTTCTTTGCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1033 NM_105587|Arabidopsis thaliana kinase (AT1G69200) mRNA, complete cds

AGCTTTTATGGGAAAACCTGGAGATGATGACTATGGTCAGGCCATGTTATATTATATGAATGTGAACAATGTT
CAGACTCGATCAGTTCAGGTTGACAGTAAGCGGACAACAGCTGTGTGCGCAGATGAAAATTGGCAAGAGGGGT
CTTGAAGACGACTTGTGTTAAATCTAGTGCAAAGATTCTTTATCAAAGTCAGAGATAAACATAGATGTGTTA
AAGGAGGCTAAAATGTTCTACTTCGGCACACATTCCCTCCTTGATCCGAATATGAGATCAACTTCAATGAAAGC
CATTAAAATCGCTAGAAAAGTTGGGGAGCGTTATTTTTACGATTTGAACCTTCCTTTACCTCTTTGGCACTCTCG
TGATGAAACAAAAGAGTTCATACAACAAGTGTTGAATCTTGACAGATATTATTGAGGTACGAAGCGAGAGCT
CGAGTCCCTTTGTGGGATCCAGCCATCAGAGGAATTTGACACCAGAAACAATGATAGTTCAAAAATTTGTCCAC
TATGAACCAGAAAGTTATTAAGCCACTTTGGCATAGAAATCTCAAGGTCTTGTGTTGTGACTAACGGAACCTCTAA
AATACACTACTATACAGAGGAGCATGATGGCGCTATTCTTGGAATGGAAGATGCCCCACTTACCCCTCTCACTT
CTGATATGTCAGCGTCAGGAGACGGCATTGTAGCAGCTCTAATGAGAATGTTATCAGTTCAGCCCCATCTGGT
TACTGATAAGGGATACTTAGAACGCTCAATAAAGTATGCAATCAACTGTGGCGTAATTGACCAATGGTACTT
GGACGAACACGTGGCTATCCTCAAATGATGAAACAGAGGAAGTGACTGCTGACGAAAATGGCATACGGTCT
ATAACAGAAGAGGAATTCGCACGGTTGCTGCTGTAAGTTAACTTTATTGGTAGTACTGCCGGATGTAGATTA
TTTGTGTTGTGATGCCACAGAACAGAGATTCCATTTCTTGGCCTCAACTGCTACGAGAAAATAAGTGTTTTCC
CCCATTTGACATAGCTATGATGTGGTGGCTTTATTGCAATAGAAATTTTTTAGTGTAGTCTTGTACCTTGTCTT
AACAAGAGACTCCAATCTCGGTTGCACTGTGCGAATTATTTCTTCTTATACCGAAGGATTG

>trans_s_1034 AY057714|Arabidopsis thaliana AT5g42660/MJB21_3 mRNA, complete cds

TTGGCTTGCTTTTGTGTTGAGGCAACAAAAATTGGTCACAATTCAAGGCTGGAGACGAAATCGGAGTTTGCTGC
CACAACGACGCCAAAGTTAGACGATTGAAACTTGAACTGTCAAGGAGTCGGGGTTGGACAAAAACCAGA
TGGAATTTGAATAGACTCGATCCAGTTACTAGGATGGTTAACGGAGTAAGAGAACGTTGCTTGAAAATCTG
CCTCCGAAAGAACTTGAGCAATTGGATATTCCTGTGCTAGAAGGTTCCGCCAGTTCCCGAGATTGATGTGAAC
ACATATCTGATAGTGACAATTCGTTGTGCTAGATAAACTTCCTCTCACGACAAAGTATGAATTCAACAAGA
TTTAATCTATTTACTGGATACCAGACTCTCGAGCAAAGAGAAAACAGTTATAAGGTAAATAGAAGTGTGAGG
TACATTGCGGTTTTTACAGCGATGATNGGGGGTTTTAAATTTCTAATGAAGACAAAACCTTCATGCGAACAT
GCACCTTTGTGGTGTGACATGTGCATTTGGTGGTTGGAGATGATCTTTATCAACCTATTGGAATGTCAGAGG
CCTCACTTCGCAAGGTTTGCTATGTTGCGTTTTGGGATGAAGTCACTTTAAGTGTTCAGAATCAGCGGGACG
TGTTATTGGTGAGGGTGGATTTATTGGGAAATGGCGTGTGTTAGTGTGAGGGATCTTCCCTTCGCTGATCAA
AGATTGAATGGCAAATTCGAAGATGTTGGGTGTCATGCTCTTCCCTAATGTGAAGTACTCCATTTGGGTAG
ATTCAAAGTCTCAGTTCGGGAGAGATCCACTAGGAGTGTGTTGAAGCTCTTCTTGGCGTTCAAATTCTGAACCT
GCAATATCACAACATGGAGCTCGTAGTAGTGTCTACGATGAGGCCGGAGCTGTGGTCAAGAAACATAAAGCC
ACCCAGAAAGAAAGTTGATGTGCAGATAAAACAATACCGTCATGATCAGTTCAGATGACAAGAGATTTAATG
GCCATAAAGCCCTTGAGAGGCGTCTGTGATTGTTAGGGAGCACTCTCCGGTGGTGAATCTGTTTATGTGCCT
GTGGGTTAATGAGGTGGTGCATTACTTCCAGAGATCAACTTAGCTTTCCATACGTCCTATGGCGGCT

>trans_s_1035 NM_001084291|Arabidopsis thaliana translation release factor (AT1G62850) mRNA, complete cds

ATCGTCTTCCCCAACCTGAAGTTGTCGTAGCAAAAATAATGGCGGTCATTAGAACCACCTCAAACATAATCCTC
AGAGAAATCCTTCATTCCCAACCTATTTTTCTCTATCACCACCCTCAATCTTCCCTAAACCTTTGCACAATCCCA
ATGCCACTTTGCCATTCCGGCTTCGTGACATCAGTTTCGGTCGTGTCCTATGCGCCGCTTCGGACTCGCCCGGT

ACGGGTGGCAAGGTGTCTTCCCGGCTGTCGCAGATGCAACAACCTGTTGCTAGAGGCGGAGGAGCGCGCTCTA
TCGGCTGACTCCGAACCCGCCCCAAAATCACTCTCGACCATGTCATTGTGAATTTTGCAAGAAGTGGTGGCCC
TGGAGGTCAGAATGTCAACAAAGTGAACACAAAGGTTGACATGCGCTTCAATGTTAAAGAGGCGTATTGGCT
AAGCGATAGAATCAGAGAAAAGATTCTGCAAACGGAGAAAAATCGGATCAACAAGGATGGAGAACTTGTA
TTTCGTCTACAAAACCTAGAACACAGAAGGGTAATATTGAAGATGCCTTGGAGAACTTCAGGCTATAATCGA
TGCTGCTTCTTATGTCCCGCCACCTCCCTCAGAAGAGCAAAAGAAGAAAATTGCTAAGCTGGCGGCTATTGGG
GAACAAAAACGCCTAAAAAGCAAGAAGGTCCATTCTGATAAGAAGGCATTTTGAAGGAGTAGAAACAGTTGG
GATTAATAACCATCTTGCCAACTACTTTGCAGCTTACTCTTTCAACCCAGGAAAAATAATATAAGATCAAAAAGT
AATACTATCATCATTCTCTGGTGATTTGCTTCCTTACGGGTGATTTCTGGAAGTTTGCTAGAAATGGATATAG
GACAACAGATTTTCTTCACTAGATTGGCGCATGATATATTGAAGCACCAGCTTAGATTAAATTTATAGGACC
TCTTTTCGGACGCGACTTGTGAGAACATCGACTGACACACAGTATCTCGTTTCTTGATGTATGTCAAATAAT
ATCAATTCAGTTATAGTTTCTATTTATTCGCTTTGTTGATGCCATGCTCATGCCAAAGTTGGTCCATTTCATTAC
CTATGATACGAAATAAAGTAATTTTACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1036 Novel Gene

TGGAACCCCAACGCTTGAAGAAAAAAAAACCATTTTAGTACCTTTGATTCATACCCAACACATCACTAGCTAT
CTACTTAAGAAAAAGAATGTCAACCTTTTGTGGAGCTCAAACCTTTGGAGGAGGAAGCCATCCTTTGGATAGT
GAAGAATACATCAAAAAGGGAAAAATCTATTGAAATGGAAGATCCCAAAAATTCCCACAACCAAAATTTACA
AATCAAACCCATTCACTTTCTTCTGATCCATTGATCAAAACCAAGAAGAAACAATGCCTTGTGAAAATGGA
AGCCAAGCTTTTAGATTAATATATGACAATCCCATCTTGGCTAGTTTTAGGAGAAGAGATTCTGCACCATGTT
GAATATGGGGATGATCCAAATTGGGGTCAAGACTTTGACCACAAAATACCCTCAAATGCTTCAATTATTCTAT
GTGTTTTTGACACTAGAAATGACAATTTTGAAGATTCAATTTTGGGGTTGGTTGAAGCAAAGCTAAGTGATGG
GCCTATGTTTTTCAACATATTTCCAAACATTACAATGTCTTTGTTTACCCTAAGTTGTGCGAGTCTTTGGTTTTG
ATTGCCATGGTTCAAGGTTTTGAGCAGCTTCTCAAGGGACAAGTCCAATTAGTTAATGTGGAGGACATGTT
ATAAGCTACAAGGCAGTGCTTTTCTACTGCTTTGATTGAAAGTCCACAAGGTAAACTGTGTTTTTCCAGACA
GATTTTGAGAACTCCAAGTTGCGGTTCAAAGGTCTCTGAATGGGACGAAGTTGTTTGCAAAGTTAGGAATA
ATATAATGAAGCACTAATAATGTTATATTGTTAAATATAATATAATGGAAGCATTAACTATTATTTTGATCAA
ATTTAGGAAGAGGATGTGTGATAAGATATATATTCATTTGGTTTGAAGTACTTTTGTGTTTGGTGAAGTATGTGT
GAAGTATGAAGTACGTAATGTATAATTTTGCCTTTTGTATGCTTTTATTGCCTAAATAATGTTGTAGCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAGGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTAAAAAACCCCCCACCCCGGGGGGGGCC

>trans_s_1037 NM_001060245 | Oryza sativa Japonica Group Os04g0591000 (Os04g0591000)
mRNA, complete cds

ACTTCGAAATCGAAACTATGGCGACGCTCGAATCCGCACTTCCAATAATCTCTCCATATGTTTCTTCTTCTCT
CCTCAAAATTATGCTTCAATAAACTTCCCTCCGCCATTAAGCTTCGAATTTCTTCTCTCTCCCTCTCTTCCCTC
AATCCCCCAACCCCATTTCCCTATCTCTTCAATTCATCGCGAAATCCCGCGGCGGAGGCCGACTATGTTCT
GCAGTGCAAGAGGTCAGTTTGGAGGAAGCTTCAGAGGAACTCAGGATGTGAATCAGAAGAAAAAATTATAT
ATCTTCAATCTACCTTGGTCTTTATCTGTTGTTGACATTAAGGAGCTCTTGGACAATGCGGCACTGTCTCTGAT
GTTGAGATTATAAGCAGAAAAATGGAAGAAGCAGGGGATTTGCCTTTGTGACTATGGCTTCACCAGATGAA
GCTCAAGCTGCTATTAGAAATTTGACTCTCAAGAAATATCAGGAAGAGTTATAAAGGTAGAGTTTGCAAAGA
GATTTAAGAGACCTCCTCCACCAAAGCCTCCAGGTCTCCTCCTGGAGAGACAGAGAATAAACTTTATGTATCA
AATCTTGCATGGAAAGTGAGATCAAGCAATCTTAGAGACTTCTTTTCTGAAAGCTTTAACCAATTGCAGCGA
GGGTTGTCTTCGATAGCCCCTCTGGAAGATCTGCTGGTTATGGTTTTGTTTCTTTGCTACTCGAGAGGAAGCT

CAAAC TGCAC TTTCTTCTTTGGAGGGCAAGGAATTGATGGGAAGACCCCTTCGCCTGAAATTCAGTGAAAGAA
GTGTCAATGAATCAGAAACCCCAAAGAAGACATTGTTGAAAGCCAACCTGAAGAATCATAGACCCACTCAGT
TTCAACATCAGAATCATCCCTTGGTAGAAAACCTGAAACCAAGATTTTGCTTGAGAATTCCAAC TGGCCCTTG
TGAGATTTGCTGGTGGTGTGATCTCTACATCTTACAGCTATTTTTGTAGTGTATTTTAGTATCATAACATTATC
TGTCATCCCAAGTTTTCTGAATCGAAGTCCTTATGGACTCTCTGTTTTGTCACAAAAAAATTCTTCTGTTCCATA
AAGTAGTTTACAAAATTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1038 NM_001058286|Oryza sativa Japonica Group Os03g0824400 (Os03g0824400)
mRNA, complete cds

AGCGTGCATCGCTGCCCCGCCGAGAATCTAGAGGGAGCAAATCGAAACTGCCGTCGATCACTTTCCAGTTGA
TTTCGAGATTGTTGATCATACTGACTTCTGGTTTAAGAGTCTTCTCTAAGCATTTACGTAATCGAATTCATGGCG
GAGCCGGAGAAGGAGAGGAATAAGTACAGTTTGATTGTCCCAACCTACAACGAGCGCCTCAATATTGCTCTCC
TCGTCTACCTCATTTTCAAGCACCTCCCGGATGTTGATTTTGAAATAATTGTTGTTGATGATGGAAGTCCTGAT
GGTACTCAAGAAGTTGTGAAACAGTTGCAAGGGGTATATGGTGAAGATCGGATCCTATTGAGAGCCAGACCT
AGGAAGCTTGGATTAGGAACGGCTTACTGTCATGGTCTCAAGCATGCAACTGGTAATTTTGTGTTATAATGG
ATGCTGACTTATCTACCATGTAAGTGTTTTAGGAGTTCTGGAACTTCTGAAAAGAATATTCTAGCATTGGAT
TTGGGATTGTAAATGTTTCCATGGGTTCCAATCTGCATTATCAATGCCTATTTCCACGATGTCATTATCTTCATAT
TTTATTAGTTGACATCTAAGTTTCTTTTATAATTTAACAATAAAATGGCATGAATAAGACGTACATAAACTTCCT
CGTCTTTGTTTGATGCTTAACTAAAGGTTCTGTTTAAAATTATGGCTCTAATGTATGGAAGAACAGTAGATAAG
AATACTTATAATTGCTGAATGTCGTATAGTAGGAACACATGATTCTAGTTTCATTGCTCTAACAAATTGGCTCT
GTTATAAGTTTGTAGAGGGGAATGAGGATGTTCTAACATAAAAGATTGAGTGACAAGAAAAGAATGTGGTCAT
ATAATTTGTGTTGGGTTTCTATTCAAAAAC TGTGGAATGTTGGGACAAGAAATCCGGATTTCTTTTGATCATG
CAGATGTTTGACTGAATCTAGGTTTTGCTTTGATTATATGGACGCTAGGAAGTAAAGACCGTTAATCACATGT
TTTTGGTTCTGAATTTCAACACTTGAGCATGTAATTGGATAATACTATCCAACTTCTACTTTCTTCAAGCCTGTC
TTCATTTCTGAACTCAATTTGCAAACTTCCATGCGCATGTTTACTGGAGTTCT

>trans_s_1039 NM_001073487|Oryza sativa Japonica Group Os12g0541400 (Os12g0541400)
mRNA, partial cds

ACAGTTTCACCCACGAGGAAGAGAGTGAGCAAAGTGGTGAGTGAAGCGTGGCGTTGGGTTTTGTTTTGGTT
CAAAATTCAAATCTTCGACAACTCTGTCCCATCTTCTCTTATTTTTCTTCCTTTTTTTTTCTTTTTTCTTTCT
CTTTCTCAAATCTTTTGAATTTTGATTTGATTTTCAACCATTCCTCAACCCTAATTCCTAATCTTCAGATT
CTGATTTTCCCATTTTTCATTTTTCGATCCCTGCTTCTATGGCGGACTCCGACTCTTCCACTCCTTCCCCTGCTCCT
CTATCAGCAAAAAAGGAGAATCTAACCCCATTTGGCTCCAAATACGGAATTGAACGAATCAAGATCAGAGC
TGCTTAATAGAATTCAATCTCTTAAGCAGGATCTCCAGAACTGGAGGTCAAACTAGACACGCAAGTTAATAC
CTACCGCAGTGAACCTCCGAACTCAAGAAATCGCTTAATGTTGAAGTAGAGCACCTTCGCACGGAATTCCAA
GAACTAAGGACAACCTCCAGCAGCAACAAGAAGATGTGACTACTAGCCTGAGGAACTTGGGTCTTCAGGAT
GTTTCTGTGGACACTAATGAGACACAACATCAACATCCAGCGGGAAGCCGCGACAAGGAAGATGCAGACGAG
GCTAAGAAGGATGGCTTAACAGAGGAGAAAGGTAATGAAGCTGAGAATTAAGTGGCAGTTTTAGCATCGTAC
GTTCTAAGCGTTTCATTGCATGGTAAGAGAATCTTTCAGTTTTCTCTAGGCGATGGATTTCCACATTTTCTAT
TTTGT CATGCTCTATTTAAATTTGATCTTTGTAACGATAGGGTTCTTTTCAATATTTCCCATTTGAGGTGTTCTAT
GATATCTCCACCTTTAGAGCTGATGATCCGTCTCTCTGGCTATGTCTCTTCTCTATTTAACTATGGAGTTTATG
TTGGAAATTTTTCAGTACTTCATAGCATTGATTCGGTGAAGAATGACGTGTTGCTTGGTTCTATATTTCTCTGG
GCTATAACGAATTGTGGGGAAGTAGGTAACCTTGTAAAGGCTCACTTTTGACAATAATTGGTTCATGATTTT
GGTTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

GATCAGAATTCCCGTAGCTTCCGAAATCACAGCGGGGCTTTCGTACAGAGAGAGAGAGAGAGCTCTGCTGTTCCGT
TCTCCGTCTCTCTCTTCAATCCATTATCCTCTTCGTCTTCCTCAGCTGCCTCTCTCAGACACGCCGAGCAAAGCAA
GATGACTCCTCACGAGTCGTCACTTCAAAACCCTAAACGAATTCTACAGCTTTCAACTTCTTCCAAATTGCAT
TTCCTCCTTCTACCCGCATTTTCTCAAACACCTTCTGGACCATCCAGACGAAGGCAACCCGAATTCGCTCTCC
ATGTAATTTTCTTCGCGACCTCCATGAATCTTTCGCCTCAACTACTGAAAGCTGTATTAGACTCTTCACTCATTC
GCTTCTGAGAATCCATTTCTGCATAAATTGCTCTCGTTGCCTTCTGAGTTCAGAGTTTTCGTTTCAGATCCAC
AGTATGAACTCCAGGAATTTTCGAGCTCTCTCTAGTCATAATTTTCTGTCAGTTTTGCCGGGGGATTCTATGGC
AGGACTTGAGTTGCAAATGGCATTAGAATTTCTTGAGCCTTTACAATACACTCTTGGTCGTCAGGCTGGTTT
TGACTTGGTTTTCCGAATACGCCTCCCGCCATTGTTAGTCCACTAAGCACGTTATGCGACCCATATTTGAACATAT
TTCGTGGGATTATTCACCACTTGGAGGGACACTTGATTTATCTCCAATATTGGCATTCTTGGTCTTAAACGCCT
TTACCAGCACTGCCGCTGCACTTCCTGCTGAACTTCCAGCCCCAAATTCGTCTCTTGCCAATCCTAATCCTTTAG
AAGGCTCTGTTGATCTTACATCATCAGAAAGAAATGGATGAGAAGGCTGCAGGGAAGTGGAAGAACAATG
CTGATGCTGATCAATAGCCTATAATTCAGGTTTGTATGCGTTGATTGAGCTCAATTTATTTGAAATTATGACTCT
TTCATCCTTGTATTCTGTCTATTGTAAAGTGCGGTTGATCGGATTACTTTGAGTTTGTGACAATTTCTTGAT
TGTGTACACTGGAAATCTTGTAGTTCAGTCAAATTGGTTAGATCACTTCTTCCATCTCAATCAAGACATGTAAA
TTTTATATTTAATAGATTTTCAAACATTTTGTCTCGAAAAA

AGGGTTACCATATATTTGAAAGAGAGAGAAAGTTGGGAGAACAAGTTGGATGGCACGGGAAAGATGTAA
AATATCTTGCATAAGTCAATTTAAAAAGAAATGAGGTGATTTCTCTAACAAATTTTGAATCGAGTACAATCCA
AGGTTTGGATTGGTTGAGTTACCTAAATTTTTAACATCCCCGGATATTCTTGGCTCAAACACACACCTGGGAA
GTATTTAAAAAATGTGTACCAGTTTTGTCAATTTTGAAGTATTTTAAATGGGACCATTTCGGAAGTATTTTT
AAAATGATTTTGAAGATATTTTGGTTCCAGCGAGCAAACCAGGGTTGTGGAGCTCGGATAAGCCATGGA
AACTCTTTCTATGCTGACATGCTTCACCGGCAAGCAGATTACACCTCCTTCAGATTCTATCTCGTACATTTAC
TTCATTACCCCATTTCCAGAAATCAAAGCCAATTCGCGCTGTAAGTGATATTGCTGAGGAGGATGTTCTACAAG
CATTCTTTGAGGAACGGAAGCTAAAGTCAGATTTTATATCAAAAAGTCTGATATGCTTTGGCAGAGGGCAGT
CTTGAAATTTGAAGATGTCACTGATGACAGATTTATGTATACTTCTCAAGAAGGACTGGTTGATGACAACGAT
GATGATGGTGGGTTTTTGAATTGTCTGTTACTCAAGAATGGATCTCAGGTGGTAATTCTGCACCAATCAATAA
AAAAGCTGTTAATAAGATACTCTCAAATGACCGTGAAAGAAAGAAGAACTAAATTTTCTCAAATATGAAGCG
CTCAAGAGGGAACTAATGCTTTTGTCTGTTGGCATTGGAAGTGCATGCAGTGGGTATTGCCTGATAGTATTTTC
GTTCCAGGCTGCCATTAGTTACGCAGTAGGAGTCCTTTGAGCTGCTTATACCTCCAGCTGTTATATCAGCAGC
CTGACAACTATCCAAAGACATGATTCCTGATTTTTCTCTCAGAAAAAGACAAAAAAATTGGAATAATAAGT
GAAGATATCAAGAACGTGTTTGAGAAATCAGTGAAGGGAAGTGGCATTGCCCTTTCATCTCCTAGGCTTATGA
TTCCTGCGGCAATATATGCATTTATGGATTCTCTCCATAAGTTTCTTGCCAATGACTTC

[illegible]

AAGAGGACGTGCATGTGTTACCAACCACACATCCTGGTTCGTTCCGGTGTAGTCTTCACAAAGGCGTTCAGT
CCCACCCTTCTACTCCTTACTCATCTAATCGGCTCAACGCACGGAGATCGGCGATGACGAACTCTCTGGTTAGA
ATTGGAGGAGTTGAAGGGGATATATTGAGGCGTGCCTTGGCGTCTCTCATCAGACCTTCGTCTCATAGTCAAA
GACGCCGAGTGGATTTCTGTCCAAGACCGAGTCGTCTTTCAATTATGTGCAAAGCTGATGATCTGTGATGGAG
ATTTTGGTACGTTGGCCAATAACCTCTGGTTTATTAATCTTTTTACCTCTTCTCTGAGTTTTCAACGACGAAGAC
GGCGGATTCAACCACAGGTTTCGATGGCAGGGATACAGAGTCGGAGGCGAAGCTTGAGAATCGAGAATCGGA
TCTGATGGCCTCTACACTACACCTCGTTCCCGGAGTTGAACCAGACAACCTATAATTTGTGTATATACACCAA
TATATATTACATATATGGGAAGATAAATACAGTTTCCGCGATTTTGATAACACTTCCTGGAGCTTCTGAACCCT
AAATTTTCACCAATTTCTAAATCAAACATTAATCAAACCTCTAATTAGTCATAGTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1043 NM_001057688|Oryza sativa Japonica Group Os03g0729200 (Os03g0729200)
mRNA, complete cds

AGGTTCTCTTTCAACCTCTAATCTAAGAAGAAGAACAACAACAAGAAGTAAAGAAACAAGAAAATTCTTG
AGCTAAATTTTGTGGCTTACGATTCAATTTCAATTCATAGGGAAAGCTTCAGACTTCAGAGCAATGAATTCAAT
TTCTACTCACATCCATTACCCTTTTCGATCTTCTCTCTTCAATTTTCCCTCCTCTTTCACCTTCAACTTCCCTTC
CCAATTTCCCTCTCATCCGTTTCTCAATCCTATTTCTCCAATTGCATCCTCAATTCTGCAAGATTACGGACCCCT
AATCCCCATGTTTCATCGCAATTACAGGTCGTCTCAAGTTCTCAAGGCTTCCACTTCTTCTGGGTATGCCCCAGA
GATTGGGGAAATTCTCGGGGATGTTTCGATTTTCACTGCTGGTGGTGAACCAGTTCTGTTCAAGGATCTTTGG
GATCAGACTGAGGGAATGGCAGTTGTTGCACTTTTGAGACATTTTGGATGCTTTTGCTGTTGGGAACCTTGCTTC
CACTCTGAAAGAAGCCAAAGAAAGATTGATTCACTGGTGTTAACTAATAGCTGTAGGCATCGGTACTCCA
AATAAAGCACGTATCCTAGCCGAGCGGTTGCCTTTTCCAATGGACTGCCTTTATGCTGATCCTGATAGAAAGG
CATACGATTTACTAGGTCTATACTATGGCTTTGGTCGTACATTCCTTAATCCAGCTAGTGTCAGGTGTTTTCCA
AGACGAGATTTGACGTTATGCGAGAAGCCATGAAAACTATACTCTCGAAGCTACCCCGGACGATAAAAGCA
GCGTGTTGCAGCAGGGAGGTATGTTTGTTTTCAAAGGCAAGCAACTGTTGTATGCTCGAAAAGATGAAGGTA
CCGGCGACCACGCTCCCTTAGATGATATCTACAACATCTGCTGTCAAGTCCCTGCAACCTGAAGCAACTCAACT
ATTGTATGCTCAAAAGGTTGAAGGTATCGGTGACCACACTTCGACGTCTATTGTTGAGTCATAACATGAATAAT
CTTCACTCATTGTTCTTAGATATTTTGATTGGTATGTATCGTTTCTTATAGGGTGATTAATGTTATAACTCTTGTT
ATTAATTTTTTACGAATATGTCTTATGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1044 NM_001061953|Oryza sativa Japonica Group Os05g0386000 (Os05g0386000)
mRNA, complete cds

ATTGCTCCTTGACTTTTGTCTCGACCTCCTTCTGGATTCTGGGTTTCTTCGTTTTTTAATTCTGTGAAATGAA
AAGAAGCTGCTGAAGTTGAGAAATTGAAACCAATGATGGGGAGGAAGACTTCACCAGTTTTTCTGGTGCTTTT
GGCTCTTGGGTTTCTTTTGTCTTATAATTTGATCACCATGTCTGTACACTACAAAGCCTCGAAGGGAGTTG
GTTAGCAGATGGGTTTGATTTGTTTGATCCCGTTATTCGAGTGCCTGGTAGAGCAGAACGAGCAGGGAAAAC
CAATTCGAAATACCATGTTGCTGTCACTGCAACTGGTGCTCCTTATAGTCAATGGCAGTGCAGGATCATGTATT
ACTGGTATAAGAAAGTGAAGGATTTGCCTGGCTCTGACATGGGAAGCTTCACTAGAGTTTTGCATTCAGGAAC
TCCAGATAATTTAATGAAAGAGATTCCAACTTTTATTGTTGATCCTTTGCCAGAAGGATTGGATCGGGGTTATA
TTGTTCTAAACCGACCGTGGGCTTTTGTCGAATGGCTGGAGAAAGCAAACATTGAAGAAGAGTATATACTAAT
GGCAGAACCCGATCATATATTTGTTAAGCCGTTACCAACTTAGCCACGGAAAGAATCCAGCTGGATTTCCG
TTCTTCTACATAAAGCCAGCTGAACATGAGAAGATCATCAGGAAATCTATCCTGAGGAGAAAGGTCCAGTGA
CCAACATTGATCCCATTGGAAATTTCTCCTGTTATCATTGAAAAGACATTGCTGGAGGAGATTGCACCAACGTG
GGTGAACATATCCTTGAGAATGAAAGATGACCCAACCTACTGATAAAACATTCCGGTTGGGTGCTCGAGATGTAT

GCTTATGCTGTAGCTTCTGCATTGCATGGTGTGCGGCATACGCTCCGCAAAGATTTTATGCTGCAGCCTCCTTG
GGATTTAGAAGTTGGTAGGAACCTTCATCATCCACTATACCTATGGATGTGACTACACTATGAAGGGAGAACTA
ACATATGGTAAGATCGGAGTGGCGCTTCGACAAAAGATCATATCTCAATGGTCCTCCACCAAGAAATCTTTCCT
TACCTCCTCCCGGAGTTCCCGAAAGCGTAGTAAGGCTTGTAAGATGGTAAATGAGGCAA

>trans_s_1045 NM_001065537|Oryza sativa Japonica Group Os07g0173100 (Os07g0173100)
mRNA, complete cds

ACTAAGCGATTCTTCTCCTTTGGTGTTTGCTCTCACGGCTCTTCTTCATCCTCTCCCTCCAATCAATAATGCCT
TTCTCCGATTCAATTTCTAATTCTCTCAAATCCCTCATTCAATTAATTTCCCTTTTCAGTCTCCATTTTCGAAGAT
TAGGGTTCTCATCCGATTCTGTTTCTGTTTTGTTTGTTCCTTTGTTTGTACACAAACCAATTCCTTTGATTCTT
TTATGATTTCCCATTTCCGTCCTCTGAATCCAATCCCATCAAGATTTCAATTCCTTTTGAAATTCGTCCATCGTT
TTTCACTAGAGCATCTTCGTTTTCCCTATTGATTTGGGTTCTAACCTTGTTTTGTTGTTGTTGTTGTTGGTGT
TCTCCCGCCCCTTCAAATCTATTGCAACTTTGAAGAACGAGTTCGAAATCAACTCCACCACCGTCATGAAGGT
CCACCCATTGCCGAGGAAGCGCAATATCGCCGTTCCGGAATAACCCCACTTCGAGAACTCTCTTGAAGATCAA
TCCCCTTTGAACAATCACAAGAACTCAGGCGGTTACCACATATCTTCAGTCGCGTCCTTGAACCTCCGTTTCG
ATCTGATGCGGATGTTTTGGTAGAGGAAAATACAGATTGTTCCGATTCAATTGCTGTAACCTGATGGTAACATTA
GCGATGGAGTTAGAGCTCATGCTGTGGAAATCCATCCTGGGGTTATTAAGATCGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTT
GTTGGAAATGGCAATAGATGAACCTGAATTGGATATGTGGAGGTTTCGACTACCGGAGACGACACGACCGGA
GCTTGCAAGTGCGGCGTTTGTTGATGGAGAGCTTATTGTCACTGTTCCAAAAGGGAATGATGAAGAGAATTCT
GATGATGGTGGAGGAGATATCTTCAGAGATGAAATGGAAGGTCGACTTGTCTTGTACAGTAAATTGAATCCT
TTCTCTCTTTTTCTTTTTGTTTTGTACTAACTGTTGGAAATTCGTTGTTTCATCATTATATAATGTTGTTCCAG
ATTTCTATTAGTTTCCCATGTTGAATTCGTTGATCCATTAGTTTAAAAGAACTTAGAAAGAAAAACAAAATC
GCTTTTATCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1046 XM_002889989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AATCCAATTGAATTGCAAGTCAATCAAGACGTTGCGTTTCTGTTCCCTCTTCTGATCCGATCCAGTAAGATCCG
GATTTCTTGGTCATGAGCTTTGAACATTCCGGAACCTCCGTCGTTACCGTCGCCGGGAGCACCGGAGGCA
AGGGAAATTTATCGTCGTCATCGGCGTCCGGAACGAGTAAGGAGAAGCAAAAGGAGAAAGCAAGAGTGAGT
AGGACGTCACTCATATTGTGGCACGCTCATCAGAATGATTCAAGTTGCTGTTGTAAGCTTCTGGAGGAGGATC
AATCCCTTGTTTCATGCTAGAGATTACGACAGCCGCACTCCTCTTCATGTTGCTTCGCTTCATGGTTGGATCGAT
GTTGCCAAGTGTTTGATTGAACACGGTGCTGACGTTAATGCCCAAGATCGCTGGAAGAACACTCCACTAGCTG
ATGCGGAAGGAGCTAAAAAGCATGGCATGATTGAGCTGTTAAATCGTATGGTGGCCTTTCTTATGGCCAAA
ATGGAAGCCATTTGAACCAAAGCCTGTTCTCCTCCTCTGCCAAATAAATGTGACTGGGAAATTGATCCTTCT
GAACTGGATTTTCAAACCTCAGCTATCATTGGCAAGGGGTCCTTCGGGGAAATTTGAAGGCCTATTGGCGCG
GAACCCCGTAGCTGTCAAACGTATTCTTCCTTCACTTTTCAAGACGATAGACTTGTGATTGAGGACTTTGACAT
GAGGTTAATCTGTTGGTGAAGCTACGCCACCCTAACATTGTCCAATTTCTTGGAGCTGTCACTGAAAAGAAAC
CACTTATGTTAATCACTGAATACTTGAGAGGGGGTGATCTTCACCAGTACCTCAAGGACAAAGGTTGCTCAG
TCCTGCAACAGCCATCAATTTTGAAGTGGACATTGCCCCGGGAATGGCTTATCTCCACAACGAACCAAATGTTA
TAATTCACCGTGATCTAAACCAAGGAACGTTCTTTAGTGAATTCTGGTGCGGACCATCTAAAGTTGGTGAT
TTCGGTCTAAGCAAGCTCATCAAGGTTGAGAATTCACATGATGTTTATAAAATGACTGGCGAGACCGGGAGTT
ACCGTTATATGGCTCCTGAAGTTTTTAAGCACAGAAATATGATAAGNAAGTGGGATGTTTTT

>trans_s_1047 BT012142|Arabidopsis thaliana At3g18295 mRNA, complete cds

CACCTCCTTCTCCTCCTTCTCTCTCCCTTTCATTCTTTTCCGCCATTTTCATAATCAACCTCAAGCTTTTTCCAAC
CCCAATTCCCTTTTTTCATCTCCTAACTTGACTTACAACGTTCTTGAATTGAAAGGCTTCCTCTATTTTTCATAGAA
TCGCAGCATAGCAAGCTCCAAATCATCAATCAAGCTCGTGTCTATTCCGCCTGATAGATCAAACCCACTTCATA
ACTTCTCTTTGCCGTGTCTCAAATGGGGTCTCAAAGATTCTCAAGTGTATGAAGGTTTCTTCTAACTCCAACC
CTTCTACCCTTGATCATCCTTCTGTTTCATCGCCAATCGAAATCTTATCAATTTCTGTGCCAGACCCATTAATTCTAA
GGCTATGAACTTCACCAAGGTTACTTCTCCGATGAACACGAATCATTCCAAACAGAAACCAATCCACGATCGA
AGCAGTTCTATTGAAATCATGCGAGAGAAGATCATGCTTGATATTAGGGAGGAATCGAAGAGACTTAAATTTT
CAATTACTGATGAAGGGGGTGAGGATGAATCTGCTGCGGCTCGACCGTGAATTTGAGGACTCGTAGAGCAG
CTTGTAAGGCTCCTCTAGATGAGAGGAATCTGGAATTGGGTTCTTCTTCAACCAAGGCTACAATGAAGAAGAA
GAAGAAGAATCGCACTGCGTTAATTGTGTCGTTGTGCGAAAGAGGAGCTTGAAGAGGATTTTGCGGCGCTGGT
TGGTACGCTACCGAGGAGGCCAAAGAAGAGGCCAAGAGCTGTACAAAAGCAAATGGATGCACTGTTTCCGG
GGTTGGTACTGACTGAAATTACTCTAGATTCAATAAAGTTGAAGATGTTCTGAAGCTTGAACGGTTCCATT
TCTTCTATGATTGCCATTTGCGACTTGGATGCACGTGAGAGCATGAAATCATTTTGCTGTTGTGGTAACATAT
TCCTCTGTTTCTGTTACAATAATGCCAAAACAGGATGTGTAATAATTAGCAAATAAACCGTTGAAGTAATTG
TAAATTTTGTTAGCCAAGTTTCTTGTTGTTCTGCTCACTGTACAACTCTTAACTATCTGAAATGCTATACAAT
GCAAGGCATATTGGTTGTTGGGCAAGGTTAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1048 CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

ATTGCTGGGGAGTTTGAGGAAGTGAAAGAATCGGAGATTGTTGAAGTGGGTAATGATGAGAATAGTTTGGA
AGTCGAGGAATTGGAAATTCGATAGAGAAAACCTCCGAGATTGTCGAGCTCTGTTATGAACTTCCACCGATTA
ACGAATATGATGAAGAAGACTAATGGATTAATCAATCGGAATCCGACATGGACAAACGAAAAAGATGGTTTA
GAGACACCAACTACTACTCCACTCTCCCAATCACTTCCACCGCGTCCGCCGTCGCTCACGGCGGCGACAGCAG
GAAGTTTTCTGAATGCATACGAATACTACTGGAGATCAAAACCCACCGGAAAATCAGCCGGAATTCAAAACCC
AAATGGCCAACAACAACTCAAATAACCCGTAACTAATTTCTTCAAACAATCAAATGACGGATGAGAAACAG
CAAATTTTGGTTCTGAAAGGAAACAGAGGAGATTATTTGGTTCCATTATCGAATGGTTGTAAAGTTCCAAGAA
GGTCTGTTCTTCTCCGGGAGCCGTGTTGCATTGCCACCACCTAAACCACCATCGACGTTACCGGAAAACCTCC
ATATCCAAATCTCCATACATATTAATTCTGAAAATTGTTAAATCTCTCAGCCATTTCTTACTATTCACTCAAAAA
AGCAATAACAGAGGGGCTATCGAAGAAGACGATAGAAAATTATTAGCAAAATTTTACAAATTAGAGAAATCA
AAGTGGGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAATGACCCAAAAAAGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGAAGTGATACATTATGATTTTCAATTTTAAAGTTCGTGAGATGTCTCAAAGCTGAACAAAATCAT
AGGCTGATCTTTGACCCATTGGACTGTCTTCTGTCTGTCCCATACATTTTGATGGGTTTTTTTTTTTCTTCCAAT
AACTTTAAAAATAACTTTTTTTTTTCTTCCCTTTTTTTTTGCCTTTGGTTATCGATGATGAACCAATAGGGTTTA
ATTATGAGTCAAGTTTGTATCAATTGGTCTTCCATTTTGAACATCATAATCCAACACTGATTATGGGGTTGCT
TTACTTTCTTATACTAAGGTTTTTCTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1049 AJ309009|Nicotiana tabacum mRNA for thioredoxin peroxidase

AAGTGTGTGGAGGTGAAGGCTGTTAAGTTATCCAGCCAGCGCTTCTCTTCTCACTTCACTTATCCATTTCTCCG
CCTTACTCTCACTTTGTGCTCTGCTTATTCCCCCGTCATGGCTTGCTCCGCCGCATCCACCGCCCTCATCTCCTCC
AATCCTTCTCCTTTCCCGCCAAGTCCAATCCTCCAATTGCTTCCGCCCCCTTCTCCCGAACCTAGCTCTTCCCA
AATCTTTCCTCGGTCTTCGCAAATCCTTCCAACCTTCCGCTCCTCGTTCCTTCTCCTCCTCCTCCTCCCGTGCA
ACTCGTTCTAGACGGAGCTTTTCTGTCCGGGCTTCTAGTGAACCTCATTGGTTGGAAATGTAGCACCTGATTT
TGAGGCAGAGGCAGTTTTTGATCAGGAATTTATCAAGGTTAACTTTCTGAGTACATTGGGAAGAAATATGTG
ATTCTATTTTCTACCCATTGGACTTTACATTTGTTTGTCCACAGAAATTAAGTCTTTCAGTGATCGGTATGAC
GAATTTAAGCAGCTAAACACAGAGGTTTTGGGTGTTTCAATTGACAGTGTCTTCTCACATCTTGCATGGGTCCA

AACTGATAGAAAGTCTGGCGGCCTTGGTGATCTTCAGTATCCATTGGTTTCTGATGTCACTAAATCAATTTCAA
AATCTTATGGTGTGCTGATCCCAGATCAGGGAATTGCACTGAGAGGCCTTTTCATTATTGACAAGGAAGGAAT
TATCCAACACTCCACAATAAACAATCTTGCTATTGGTTCGGAGCGTTGACGAGACAAAGAGAACGCTCCAAGCC
TTACAATATGTGCAGGAGAACCCCGACGAAGTCTGCCCTGCTGGATGGAAGCCCGGGGAGAAGTCGATGAA
GCCAGACCCCAAGGGTAGCAAAGAGTACTTTTCTGCCGTGCTTAACATGTGTGAGATGGTCTGAACAAAGTC
AGTGTCTGGTGCAAATGCATTGCCATTTTAGTTATTTAAATTTTCTTTGCCGCTTGTGGAACAAACTGGTGAA
CGAGGCTTGGAGTTATTGTCAATTGGATATAGAGTGACAAATTTCTCATCTCTAGATTGAATGAAGCAGCAATA
AATTGATAGGGCTTTTCGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1050 XM_002305619|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAACCCCGACTTCTGTGAGTTTCCATTTCAAGAGCATAAGCAAAAACCTTTCTTTGAAATCTCAAAACACAAAA
ACAGATAGTCATACATTAGATATTCGAATCTCCTTCTTAATCAGATAAAACGAATAGGTTTAATTTAATTCGA
GTATTTGAGAATTGAGAATGGCTTTGGGAAAGAAGACCGGTTGTTTGAAATCCAAAAGCGTCGTCTCTGCTGC
TGATAAAGGACTGGATTTTCGGAGTCGTGAGATATACTCGTGGTTTAGGAAGGAAACGTGTCGTGATTTCTTGC
AATGAGGAAGATTCATCCATCGACTTGACACCGAAGGCGCCGTCCAAAAGGCACTGCAACACCACTGACGTTT
CGGTGGAGGCCGATAGGTCTCTGCTCGAGGCTCTGCCTCAGGAGATTCTGATTAGGGTTCTCTGCGGTGTGG
AACATGATGATTGAAACAGCTAATCCGCGTTTCGAAAACAATTAGCGAAGCGACTTTGATTGCAAAAGACTC
GCATTTTCGCTTATAGCACTCCCTCGAAGGTCCGTGCGTTTCGCACCGCCATTGAATTAGACGACTCCAGCGATT
TCGACGAGATTGAAGCGCCAAATGCTCGTCCCAAGACGATTAGATCTCCATTAAATAGAAAGAAGCTAGC
GGAGATATCCGTAGCCTTATTTGCCGAAGAAGAAGTACAATGGCCAAAGAAGAAATTGCCCATTTGGACAGA
GATGTGAATTTCAACAACCCAGAGGGCTCTGTAAATACAATCTGTACTCATATTGTTGTAGAAACGCGGTTGT
GGTGGTAGGAAGAAAGCTGTAGTTAAGGATCTGGAATCTCAGATCTTGGTTGAAGAAAAGAGTGGTGCTGTA
CATTTCCCACTGACCAAATCTTCAAATCTTTCGTTGAAGATGAAGATGGTGGGTGGGGTTAGAAATGCATTTCTT
TTTTTCTTTTTTTGTACAGGTATTATTACAGACAGATTGATAGGCAAATTCGTTGATAAAGGGTAGCATTTTGG
TTTAGTCCCTGAACCTTCTCTGATAAATTTGAACAGTACATTTGTATGTACTTCCTCTCATTCTTTCTTATCTAA
TAAAAATCGAAACATATTTTTCTCGCAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1051 NM_119436|Arabidopsis thaliana AtAUR1 (ATAURORA1); histone kinase(H3-S10
specific) / kinase/ protein serine/threonine kinase (AtAUR1) mRNA, complete cds

TCTTCCCGTCTCTCTTTCTGTCGTCTCTTCTCGCCATTCCCTCTGCTTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTTTCTTCT
CTCTCACATGGCGATTGCTGCGGAGAACCAGCCCCAGGAGAAGATTACCACTACGGAGGCCTCTGCTGTCTGA
AAAGAGAAGATGGACGCTTAATGACTTTGATATCGGGAAGCCTCTCGGAAGAGGGGAAGTTTGGTCATGTCTA
TCTGGCTAGAGAGAAGAAGAGTAATCACATTGTGGCTCTAAAAGTTCTATTCAAGAGCCAGTTACAACAGTCG
CAGGTTGAACACCAGCTTCGTGCGGAAGTTGAAATACAGAGTCATCTTAGACACTCCAACATTCTGCGCCTTTA
TGGATATTTCTACGATCAAAAACGGATTTATTTGGTATTGGAATATGCACCCAGAGGTGAGCTTTACAAGGAA
CTACAGAAGTGCAAATACTTCAGTGAGAGACGTGCTGCTACTTACGTCGCGTCATTGGCTCGGGCACTCATAT
ACTGTCATGGAAAACATGTAATCCACAGAGACATCAAACCAGAAAATCTTCTAATTGGTGCCAGGGTGAAC
TAAGATAGCTGACTTTGGATGGTCAGTGCACACGTTCAATCGTAGGCGGACTATGTGTGGAACACTGGATTAT
CTGCCTCCAGAAATGGTGGAGAGTGTGGAACACGATGCAAGTGTGGATATCTGGAGCCTTGGTGTATTATGC
TATGAGTTTCTCTATGGAGTACCTCCATTTGAGGCCAAGGAACACTCAGACACATACAGGAGAATTGTGCAAG
TAGATTTGAAGTTTCTCAAAGACCAATAATATCTTCAACTGCAAAGGATCTTATCAGTCAGATGCTCGTCAAG
GATTGTTCTCAACGGTTGCCGCTACACAAAGTTCTCGAACACCCCTGGATTGTCCAAAATGCAGAGCCCTCTGG
CGTATATAAGAGTTGACCTGCGTTGAATAATAATATATCTTTTGGTACAAAGCTTCAAAAATGATCTCCATTAC

TTGTAGCGTGTGAGTGTGATCTAAACTGCTTCTGTGAGAGGATTGTAACCAATTACTAATCGATATTCGATT
CGATAATATATCCATTCAATTTTCATCCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1052 XM_002890018|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UBX domain-containing protein,
mRNA

AGTAAAAAGGTGAGTTGAGCACTCATAATTCTTACCATACAGGTGCTTCCATTTTCCATTTCAATTTCCCCCTTA
ATTTTCCTTTTTTCACTTGCCGTTTGGGTATCTACAATACCCTTCTCTTTTATATATTTGATTACGATTAGATCTC
ACCGGCAATTTTACAGTCCCAAGAATTTTCCAGCCACGGTATCGAATCGATTGGCTGACTTTTCCAAATCGAA
GAAAAGCGAAGAAAAACCAAGAATCCCCACTGATTGCCACCACAAGTTTTATTTTTTTAAAAATTTGGTTC
TTTCTCATCAACACTTTTGCTTTTGTGCCGATCGTCGGGTTTCAAGCGAGGGAAATGGAAGGGGTGCTCTCAG
CCACCGATAAACAGAGTATGGTCTCCTCTTCTTGAGATTGCTGTGGGCCAGACTGCTGAGACTGCTAGACA
ATTTTGCAGGCAACTAGTTGGAAGCTTGAGGATGCTATTAGCTGTTTTATGTCGGTAATGAAGCAGGAGTG
GCTGGACCACCATCTGTTCTTCTCCTCCACGTACAAATGAACAGATCAATTCTTCAACTGATCACACATCCAAT
GTATCTGGAAAACATGCGGGACCTGGAACATTTGGACAATATGAGGATGAGGTCCGCCCTCCTTACCTGTTA
TAAGGGAAGCTCTTATGATGATGCAATGTTGTATGGAACAATATGGGGTATCTGCCAAATGAATCTGGATC
ATCAATAGGGTTCGGAACCTTGCAAATGAAGTGAAACATCATGATGTTTGGGAATCAGGAGATGGTGCAGC
ATCCACAAGTGGAATTTCTGAGATAATTTAGCTTCTTTATACCGCCCTCCTTACCATTTGATGTTCACTGGGTC
CTTTGAAAAGGCAAAAGGTGCTGCCTGCGTCCAGGACAAGTGGCTGATAGTAAATCTGCAGTCCACCAAGGA
ATTCAGCTCGCATATGCTTAACCGGGATACATGGGCAATGAAGCTGTTTCTCAAATATTTCTACCAATTTTAT
TTTTTGGCAGGTGTATGATGATTCAACTGAAGGCCAAAAGGTCTGCACATATTATAAACTAGAAACAATTCCT
GCTGTCCTTGTCATTGATCCATAACAGGGCAAAAATGCACTCTTGGGTTC

>trans_s_1053 GQ369508|Hevea brasiliensis plastid jasmonates ZIM-domain protein mRNA,
complete cds; nuclear gene for plastid product

AAAGCAAAGCAAAGCAAAGCAAACCGCTATCTATCTAACAATCAAAAACCCACATATTCCTCGTGCCTTTTTT
CTTTTCTTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTTATTTAGTTTCTTCTTTATAAAGACTTCCACAGATAATTAATAATCCT
TAAGCCTTCTTCCCAAAGAAAAAAATAAAAATTCATCTTCACCTTCAAGACATTACTTTTTCAAACAACCCAT
GTCGAGTTCTTCTGGGTTCTCTCACATTTCTTCTCAAAGATCCCTCTCCAACCTCCTCCGAAAACCTTCCCTTCTT
CCCCTCCCCCCCATCCTCCTTCTCCTCCTCCATTTCAATCTCGTTTTCTCCGCTAATCTCCGCCAACTAAAGGGA
ACTTGACGGAATAATGGCGGATCGGAAGTCTTTGGATTTGTTTCTCAAGAGGCGGGATTGTTGTAACCTCAAA
CGACGTCGATTCAAGGGTTTATAAATCGGCTACGGCGGGGCTCAAACCTCCCAAATGACGATTTTTTACGCT
GGCCAAGTTTTGTGTTCAACAATTTCCGGCTGATAGAGTCGGCGACGTTATGTTTCTAGCCAGTCAAGAGA
GCTCGAGATTGAACATCCCTACCACCGCTCCGTGCTGCCCGTCAGCCCCCATCTTGGTCGGAACCTCCGCA
GATTCTTTAAGCTCCAATTCCCCTGTTTCCACTCGAAACCAAACCTCTCCTCCTCCGCCGCTCCCCCTCCTCCG
TTCCCGGAGCTCTCCCGATGGCTCGTAAAGCTTCGATCCAGCGTTTCTTGGAGAAGAGAAAAGATAGACTAAC
TCCGAGAGCGCCATACCATAACAGCTCTCCGATGACGAGCAAGAACTCCGGCGAGAATTCATGGCTGGGATT
GGCGGTGCAGTCTCAAATAGTTTATAAGAAATATGAAAATTTGAAGTAGAGAGAAAGAAATTTAGATTAA
AGAATAAAGGAAGGGAGTTTGTGTTGCCATTTTTGCTCAGGCCTCTGTTTTGTGAAAAGCTCTGTTTTTCGG
AGGCTATGTTTTGCTTTTCTTCTTAACCTTATCGATTCTTTTTGGTCGATAATATCATTGTAAAATCAATACATA
TTTCTTTTCTTTCTAAAAA

>trans_s_1054 NM_116051|Arabidopsis thaliana RSP31; RNA binding / nucleic acid binding /
nucleotide binding (RSP31) mRNA, complete cds

>trans_s_1055 DQ787063|Glycine max bZIP transcription factor bZIP41 (bZIP41) mRNA, complete cds

>trans s_1056 XM_002882480|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipase class 3 family protein, mRNA

AAGAAGCAATTT CAGGTGGGATTTGCTATTGTGACTCGCCAGGAGTGAATCTGCAGGAACCTTAAGAAAGAAG
CATCGAATTT CAGGGATGAATTATGGATGGGGATTCTGACCTCAGTCGGAAAACAGATTTGCTAGTTCCTTGT
TCATAATCTGTCGCATAAAGTACCTTTATGCATGCAATCAAATGGATCACAGCCAAAGCCGGCGCTATCTCTAC
TTTTAGATGAGGCTAAATCTCTTGGTATTCCTTGGTACTTGCCATAACAAACAAGTTTTCTGTAAGTGCGCAT
CAACAGAAAGCAGTAATTGAAGCCGTTTTGCAAGCTTATCAAGCATCTCCATCCACTACTGGAATAATCAATTC
GAGTCCTTATGTTTTTATTCTGGTGCTGCTACTGCTTCCTTGTGACCAAGTGAATTATTGGAGACTCGGATGT
GAAAATGGCTGCTCAAAAGCTTTTTCTTGCTCCTATCAATCTAGTTAGGAGGCCTTTTCAGAGGAAGGAGACT

GTTCTACCAAGTGGAGGGTGTCAACTCTCTCTGTCAGCTTATTCATCGTGTGCTTCGTAGCCATGAGGAGACATC
ATTTCAGGAGCTGGCTAGAGAGAGGCTTTTCATGGAATTGGAATACGAACGTGGAATGTCCATGGATGCAAC
TCGAGATGCAAAAGCCAAGGAAAATTCTAACATCTGCAGCAGTTGGTGCCTCCCTCGGCGCTGGCCTCGGC
ATTGTTCTGGCAGTCGTTATGGGAGCAGCCTCTGCATTGAGAAAACCTTGATCCTTCATCTCACCATAATTTGT
GAGTAGAATATTCTGGATGAAAGGAGATGAATAGTTCTGTTTATATAGTGGTTTATTTAATTAGTTAAGGTTCC
TCTATTGATTACCATTACATAACAATGCATTATTTGCTTTATATTCATGTAAAATTATATTAGCGAAGAAAATTGG
ATTTCTCAGAAATTTTCGAAGATTGAATATAATGTACAGATCAGCATTAGAAATTTAGCTCCCCCAATTCCTATT
CTACTAGTTGTATTCTCAAAAACACCATCTTTGTAGAGTGTTTAGAGGAAGTTGGATTCTTATTTTTTAAAAAGC
AAAAGTTTGTATTATTATTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1057 NM_001053361 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0469200 (Os02g0469200)
mRNA, complete cds

ATGGTAAATCACTTTTGTGGGATATGAGGAAGCCAATCAAAGCTGCTCTATCTGCGACTGCAGAACATCTTTCC
GGTCTGCTCCCTCTCCATCTTGATACAGTCCATCCCATGATACAGCAGTTGAGGATTGGATATGGTCAGTAGG
CTGCAATCCATTTTCCATTACTTCCCGTGGATGGTATGTTTCACAGTTTCAGTCTGATACTATTGCTCGGAGTTA
TATCATCACAGCCCTTGAAGAATCAATTCTGCGAGTCAATTCAGCTATTCATCTTTAATGATGGAGCGTACCA
CTGAAAAGTCCTTCAAGCTCTTCTGTACAGGAGCGTGACCTTGAAAAAAGCACCAGTATGTTGTTAGCCTG
TGGAGAAGAATCTCAACCGTTTCTGGAGAGCTGCGGTATATTGATGCTGTAAGATTGTTGTACACACTAAATG
AGGCATCCAAAGGGTTTGTGATCAGGTAAACACAACATTAGCTCTTCTTACCCCATTCATTGCTCACGAGAG
AGAAAAGTAGACATTGTATTTGATGGAACGACCATTCTGCTTTTCATGGTCATTTTGGGGCTTCTCTACATCCT
TCTAAGACCAAGGCGTCCGAAGCCAAAAATTAAGTGAAGAATATGCAGTAGTCGGCATGTATCATTACACAGAG
GGAAGCTTTCTCGAGATGTCTTGCAAGAAAGTAGAGGTTTCACAATTTTCTTTTCTCGTTGAAATCCATTTTGA
AAGTTGAAAATGTGTTATTAGAAGAGGGTAAAAAATGAGGATGTGAAAAATAGGTGATAGATTATGGGTTTA
GCAAAGTTAAGGAGGGCATCATATAATCACATAAACAGAGGTTTTAGAATGTTTGGCATATTCATTTATGGGT
CGGAAATCTCATGTACTGAGTTTTTTATGCCATCTGAAGTTTCACATTCAAATTTGTGTTAAAGTTTTACTGTC
CGCAGCACACGGGTTTTACTCTCTCTCTTTTAGTTATTATTGTAATAACAGTGAAAAAGTTAATTTTTGGTTCAT
GATGCTTGAACATAGTGTCTATTTGGTCTTTCGGATTTCAAAATGAAATTTTAGTCAGCGAAGTTTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1058 EU391593 | *Ricinus communis* long-chain acyl-CoA synthetase 4 (LACS4) mRNA,
complete cds

ATCGGGAGGCTTCTTAAAAAGATCGTTGTTTAACTTGCATACTCATATAAATATAATCAAATGCAGAAGGGG
AAAAAGCATCAACAGGCAGCCCCACTTTTTGATAAAGTTGTCTTTGACAAGGTGAAGAAGGGATTAGGAGGA
AACGTGCGAATCATTTTATCTGGAGGAGCTCCTCTTGACGACATATCGAGACTTTCTTTGAGTTGTATCATG
TGCTCATGTTCTACAAGGATATGGTTTGACAGAACTTGTGGGGGAACATTTGTCACCTACCAGATGAATTG
CCAATGTTGGGAACAGTAGGTCTCCAGTTCCCAATGTGGATATCTGTCTTGAATCAGTACCTGAGATGGGGT
ATGATTCGCATGCTAGCACGCCTCGTGGGGAAAGTGTGCATCAAGGGAGATACATTGTTTTAGGGTACTACAA
ACGCGACGATCTTACCACAGAGGTGTTGGTTGATGGCTGGTTTCATACAGGGGATGTTGGCGAATGGCAGCC
GGATGGAAGCTTGAAAATTATTGACCGTAAGAAGAACATCTTCAAATTTCCCAAGGTGAATATGTTGCAGTG
GAAAATCTAGAGCTGATTTATGGCCTTGTTTCCGACATCGAAATGATATGGATATATGGAAATAGCTTTGAGT
CCTTCTCGTTGCGGTTGTTAACCTAAAAAGCAAGCACTTGAGCAATGGGCAGAAGAAAATGGCATAAAAG
AGGACTTCAATGCTCTTTGTGAAGACAAAAGGGCAAAAGACTATATACTTGGACAACATCAAAGATTGCCAA
AGAACAAAAGTTAAAAGTTACGAAAATATTAGAGCGGATCATCTCGACCCCCCTTCATTTGATATAGAACGT
GACCTTCTGACTCCATCATTTAAGAAGAAGAGACCACAACCTGCTCAAATACTATCAGAAAGAGATCGATGACA

TGTACAAGAGTGGGAACAAGCCAATTGCCTGAGGAAGGAAGAAGAGGATTGAAGATTGACAAAGGATGTAA
AGCTTCATATTTATATATGTTGCGTTATTTGTAATTCATTGAATTGAATTTTTTTTTTAAATGTAACATTAAAA
AACAACAACCACAATAATAAAGACTATTGGAAGGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1059 XM_002314848|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA

ACTCTTCTCCTTGCCGTCACGCTACGGTCCCATCGACGGTGGTATCCGGCGAGTTGCCGTTTTTCAGAGAAG
CACCGGCATTCCAAAACGGCTGGGAATCGTCAACGGACGATGAAGCCTCCGTTATCCATATCGCCATGACTT
TGGACGCTACCTATCTCCGAGGATCAGTAGCGGGAGTGTTTTCACTACTTCAGCACTCATCCTGCCCCGAGAA
CATAGTGTTCCACTTCATCGTCACGCACCGTCGTTTAGAGCTACGACGCATCATCACTACTACATTTCCCTTACCT
GAACTTCCATCTCTACCATTTTGATTCAAATCTTGTAAGAGGGAAGATCACCTACTCAATTCGACGAGCTCTAG
ATCAGCCATTGAATTACGCGATAATGTACTTAGCAGAACTATTACCAGTCGCGGTTAATCGAATCATCTACTTC
GATTCAGATCTGGTAGTGGTGGACGACGTAGCGAAGCTATGGAAGATAAATTTAGGGAATCACGTGTTGGGA
GCGCCGGAGTATTGCCATGCGAATTTTACGAAGTACTACACGGCGAAATTTTGGGTGAATTCAGAATATGCGG
CGGCGTTTGAAGGGCGGAGAGCGTGTTATTTCAACACGGGGGTGATGGTGATCGATTTGGGGAAATGGAGG
GAAGGGAAATACACGGAGAGGCTGGATAAATGGATGAGGATTCAGAAGAAGAACAGAATTTATGAACTGGG
ATCGTTGCCTCCATTTTGCTTGTTTTGCAGGGGATGTTGAAGGAGTTGAGCATCGATGGAACCAACATGGG
TTGGGTGGGGATAATTTGAAAGGGGTTTGTAGGGATCTTCATCCTGGTCCGGCGAGTTTACTCCATTGGAGTG
GAAAGGGGAAGCCATGGTTGAGATTAGATGCTAAGAAGCCTTGCCACTTGATAGTTTGTGGGCTCCTTATGA
TCTTCTCGTCATTCTTCTGTTTTCTGATAATTGAAGTTGCCGGAAGGGAAAAGGTCGCTGCCAATGCCGCC
GGTGACGGTGGTTGATGTAAAAATGGATTCGTTTTGTCAAGAAGCTACAAATTTTTTTAATTTTTGAGGTTG
AATGTTCTTTGTAATGTAATTTAGATTGAATCAGCTGATTGTAGTCGACTAAGAATTATAAAG

>trans_s_1060 NM_126615|Arabidopsis thaliana ORG4 (OBP3-RESPONSIVE GENE 4) (ORG4) mRNA,
complete cds

ATACATTTATGCGTAAACCAAGAATTTCCCATTTTTGGTTTCGTTTCAAGGCTCTCAATTCCTTTTCTCTCAAA
ATCAAATCTTTTTTCTTTTTTCTTGCCGGGTTTAAAGGGGTTTTTGGTGGGTGAATTTCACTGAAAACGGTTC
CGGTTTCCTTGATTTCTGTTAATTTTACGTATAATTGCTTAACATATGGATTCCGGATCAAGTGGTGACGAACC
CACTTCCTGGGAAGACCTTTGTAGTATCAATTTGATGCCCTCGGAATTGTTCTTGAAGTTTCGTAAAGAGTTGC
AGGGCTTCGAGTTGGTGTCAATTTGGAGTTCTACAATGCTCCATGTAATGAATATGAAGCCAAGCTTGTTCTG
AAGCCATTATATCCGAACCAGCGTTGGAAGTTTATCTATGAGCCAATTCGTCAAGATATACGTCTTCTTCCAA
AAAGATTCCTGTTACCAAGTTTCTAAATCTTCAGGTTGGTATTGGACATAATTTTCAGATGCACGCCACTGGTT
GGAAATGGAAGCTAACCACTTGTTTAGGTGGAGACGGTGTATCTCGCATACGAAACAAGTCATCTATTAGCCC
GTTTCCAGGATTGGATTTCCGCTTCGGATGGAGGGCAGATTATGTTCTTCTGAAATTACAGGGGGCCCTAGGC
ACTGGTGAACCGTTGTTAACATGAAGTTCGGGAAGATTGGAAGCCTCACTTGATAGAATAGAGGCCATTGTCA
CACACAGTCATGAATCTTGAACATCACCCCCATTGTGAAGTTGAGAAGGTGAAAAGTATAGCAGCTGTATAAT
TCAAAGCTTCTAAAAGATGAAAAATTTGCCAGTTTACTTTCTCAGGATGACAACTTTACAAGTTGGTTTTGGA
GGTCTCTCTTTCTCTCTTAATTTCTCATGTTTTTTTGGTTCATTTTAGTTGTAAATTTGAAATCAATCAAG
GTGAGGAATCTTGTGGAAGATGGATACTTCTGTTACACATTTGTTCCGACCAAGTAAATGAATTCATCATACAT
AATATGATTAATGTTTGGTTGGCGTGGACATCATACGTCAAACATAACAAAATGAATTTAAATATTTACATGTA
TAATAAATATATTGGTCTATCACACATAGACTACTATTTATATTTA

>trans_s_1061 AM411449|Solanum tuberosum subsp. tuberosum mRNA for Ran GTPase-activating
protein 1 (ranGAP1 gene), cultivar Desiree

>trans_s_1062 NM_127616|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock family protein (AT2G20560)
mRNA, complete cds

>trans_s_1063 AB024575|Nicotiana tabacum mRNA for ethylene responsive element binding factor, complete cds

CAAAGCAGAGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAAGAAAAAGAGGAATCGGAAAGCCGTTAAGAGCAAAGAAA
GAAATGGAGCTCCGGCACAGGCACTGGCGTTAACCTTCTCCAATAGGAGGTGGTAGCTTAACATTGAGGA
ATCTGCAAAACTCCCTTGATTTTTGTCTACCATCTCCGAAAACTCTTGATTTAATTCATTTCTTTTTACCT
AAACTCCGTATTCTTTCTTATTATTCATCCATGCGGCGAGGTAGAGCCACGGATCCATTGACGGCGCCAGAA
TCAGTCCAAGAACCTGTTAAAGAAGTCCGATTGAGAGGCGTTCGGAAGCGTCCATGGGGCCGATACGCCGCC
GAGATTAGAGATCCTTGGAAGAAACTCGAGTTTGGCTAGGTACCTTCGATACGGCGGAGGATGCTGCCAGA

GCTTACGATGAAGCTGCTCTCTCTCTCCGAGGACCCAAGGCGAAAAACGAACTTCCCTTTGCATCCATCTACTAT
CTCTGTTTCATCAACAAATTCCGTTCTCGCAGCAGTTTCATGATTCCGGTGGATTCTGTGAGATTAGTAACATTAT
TCCAGTTAATAGACCTACGTCGAGTAGTCTGAGCTCCACCGTGGAGTCATTTAGCGGGCCACGGCTTTCGATT
CCGGTCCGTCGGTTCCAAAGCTCCGTCGGAAGTCCCAGCCGAGGTTGCTCCCGACGATTGCCATAGCGACT
GTGATTCATCGTCATCGGTCGTTGATGACAGTGAGGAATATGCTCAGTCGTCGTCAATTCGTAGAGTGTTGCC
GTTTCGATCTGAATCTACCTCCTCCACTGCCGCCGCCACATGACGTCGATTTATCCGGTGATGATCTTCATGCCA
CTGCTCTGTGTTTTGATATATTATCCTACTTCTCAATCACCAATACCAAACGGTTTACTCTCTCTTCATTATCTAT
TTAACATTCTATCGGTTGGGTAGAACTTAAATGATAACTTTGTCTCTCAGCTGCTGCTTGTGAATGAGAAAA
ATTTTCTTCTCCAGTCCTTAATTTCTTAGTTCATGATGTAGATTAGCATCTGGATTTTACCAACACAAGTTCTCTA
AATCTTTGTGTCTCCATGTCCTTAAACAAAATGAAAGAAATCCATGAATATTGC

>trans_s_1064 FJ360627|Solanum lycopersicum cultivar San Marzano cyclopropyl isomerase (CYC1)
mRNA, complete cds

TTTGAAATTTGCGAACACCAAAGCGAAAAACGCCTCATCACCTCACTCCTCCCTCGGTTTTCTCTTAATTCAGT
TGGAGAATTTCAAGCCGACCATCTGGATATCTTTATCATCTCAATTCACATCTTAATCACTTTTGTAAATGGCCG
GGGGTTCTGGTTCTTCTACCTCTAATCATCATTCTTCAAGCTTATGGCTCTCTTCAAACCTAGCAAGAGATGG
GGTGAACCTTTTTTCTTCTACACTCCTTTTTGGCTCACTCTTTGCTTGGGAATTGTCATTCTTTCAAACCTCTA
CGAGAGGTTTACGGAATTGGAATATTTGCTTCTTGGGTTGTTAGCAGCACTTCCTGCCTTCTTGATACCGGTGG
TGTGGCCTGGAGAGGCTGATCGTTGTTTGCTTGGAAAGATCGATATTGGGTGAAGGCTAGTCTTTGGATAGT
AATCTTCAGCTATGTTGGAAATTACTTTTGACCCACTACTTTTTCACTGTTTTGGCGGCATCTTATACTTTTCCA
TCATGGAGGATGAATGATGTACCACACACGACCTTTCTTCTTACACATGTATGCTTTCTATTCTATCACGTTGCA
TCTAATATGACTCTTCGGAGACTCCGCCATTCTGTTGCCGACTTACCGGAGAATATTCAATGGGTTACGCTAGT
TGCATGGATTTTGGCACTCTCATACTTCATTGCATACCTGGAGACTTTGGCCATTTCCAATTTCCCTTACTACCA
ATTTGTGGATCGGGCTTCAATGTATAAAGTTGGCTCTTTGTTTTATGCCATCTACTTCTTCGTCACTTCCCAAT
GTTCTTGAGAATTGATGAGAAACCTGGTGACCTTTGGGACTTACCTAGAGTGGCAGGTGATTCTCTAAGAGCA
GCAATGTTGGTAACAATTTTACTCGATCTTTGGCGCATCTTCCTTGGACCTATTGTACCACTCCGAAAAAGCA
ATGCTCTCAACCAGGGCTGCCATGGTTTCTAGGACAAGCCAAGTGAAACTTCAGGAAGTCTTTGCTGTTAGT
GTTAAATGTGGTCTTGTGTTGTATTGTAGTTACTATGTTAGTTTTAGCTCTGTTTGTGAACACTCTTAGCCTTCG
TTGTATTAGATACTCTTAATGATTAATCATCCTTCCATCT

>trans_s_1065 NM_100461|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein
(AT1G05805) mRNA, complete cds

AAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCAAGTGGAAGTGGAAGTGGAAGTGGAGGA
GGAGGAGGAGGAAGACTAAAGAATCAAATGAGTTTCAATGGGCAAGATAATTCATTTCTCAAATCTCAGAA
ATTAGTGAAAAGTTTCGTAGAGGCAGCCAATTCTTGTAGCAATGGCCTTCAAAGCAACACCAATTCAACCCATTC
CTTTGCTCCTTCTTCTGCCTTCGCTATGGATTCTTCTCTGGGACACTTCTAGTAACTCCATCGTCTTTGCTGCTCCT
CATGCTAAAAGATCCAAGCACCACCATTCGATGCTGACTTCTTCTCCGGCCTCGAGTCGCAATTTAGCTTGCC
ACAAACAACCCTAGAAATGGCAGCTGTGGAGAGGCTGCTACAAATTCCTGAAGACTCCGTTCTTGTAAAGATT
CGAGCTAAGCGTGGCTGTGCTACTCATCTCGGAGTATCGCCGAACGGGAGAGGAGAACTAGAATCAGTGGA
AAATTGAAAAAACTTCAAGAGCTTGTTCCCAACATGGATAAGCAAACAAGTTATTAGACATGTTGGACTTAG
CAGTGCAGCATATCAAAGGTCTTCAAATCAAATTCAGAAGCTTAACAAAGAAGTTGAGAATTGCACCTGTGG
AAGCAAAGAATGCTCATGACATTTGGAATTAATTAGAGTTGGAATATGAATTATTCTTCTCAAATTTTGCTT
TTTTTTTCAAAGAAATTGTTCTTTTCACTAACCCAAAAAATTTAAAAAGAAAAAAAAACAATAAAAGGTGGG
ACAAAAGAAAACAAGAATGAGTAAAGGGCATTGTTGATTGTACATAATAATTAATGGAAGCAGCTCTCCAGC

TCTAATTAATTCCCAAATTTCAATTACAATATTTTAGGTTGCTTAAGTAACCTAAAATATTTTAAGTTTATTTTGA
GATCATTCTTCTTTCTTTTTCTCTCATGTAAAATAATTTGAATTCTTCTTTGGTTGTCCATTTTGTGATTTGT
CTTTCTAAGTATATTAGAGAAACATATAAATTCGACTTCCTTTTTAATTTCAAAAACNAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1066 NM_126297|Arabidopsis thaliana cinnamoyl-CoA reductase family (AT2G02400)
mRNA, complete cds

AATTTTGAATTGCATGGCAACTCACAAGGAGAAAGAGCCAGTTTGTGTGACCGGAGCCAATGGATTCATCG
GATCCTGGGTCGTCCTGTGCTCTTGGAGTCTGGCTACACTACAATTCATACCTCCATCTTCCCCGGCTCCGATT
CTTCCCATTGTAAATCTCCTGCCCTCTACTAACCTAATGCTAAGCTTAGGGTTTTCGAAGCGGATGTAATGG
ACGGTGAGGCGGTGGCCAGAGCTGTGGAAGGCTGCAAGGGAGTGTTTCATATCGCATCCCCCTGTACATTGG
AGGATCCGGTTGATCCACAGAAAGAATTGGTGGAGCCGGCGGTTCAAGGCACCGTGAACGTTCTTAATGCGG
CGAAGAAGTTTGGAGTGAGGCGTGTGTTCTTACTTCGTCTATTTGCGCTCTTGTCCCTAATCCTGGTTGGCCG
TCCGATATGCCATTTGATGAATCTTCATGGACGGACCTAGAGTACTGCAATCCCGCAAGAAATGGTATCCAG
TTTCTAAAACATTGGCAGAGAAATCAGCATGGGAGTTTGCAGAGAATCATGGACTAGATGTTGTTTCCATCTT
GCCAGCCACATGTCTTGTCCTCTTTACAACCCACTTTGAATGCAAGTTGTGCTGTATTGCAGCAGTTGCTCC
AGGGATCCCAGGATACTCAGGAATATCACTGGTTGGGTGCTGTGCATGTCAAAGATGTTGCAAAAGCACAAA
TTTTATTGTTGAGTCTCCTACTTCTTCTGGTAGATATCTTTGCACCAATGGTATCTATCAATTTCCGAGTTTGC
AGACAAAGTTGCGAAAATTTGCCCTCAATTTCCAGTTCACAGATTTGTTGGAGAAACACAACCCGGGTTGGTT
GGCTGCAAAGATGCAGCGAAGAAGTTAATTGATCTGGGATTTGTTTTCACTCCTCTTGAAGTTGCCATTGAAG
ATACGGTTGAGAGTCTTAGAAGCAAAGGCTTTTGAATCAGTAAGTAATTATTGAACTAATCTGAATAATTTT
TTTATTCCTTTGAATGCAAATTGATGCAACTCTATCTATTTATGAATAAGTAGTAGATCTTGTAGAATTGCTA
TACTTTGAGATTTGTTTAAATGTCAAGAATATGGCTGGAGGCTTTTATCTTTCT

>trans_s_1067 BT003122|Arabidopsis thaliana At1g61150 mRNA, complete cds

TCGAAGCTGAGGGATCGCCGGAACGCCATTTATTACTTCGATTCAAAGAATTGGCAATCCACTCCGAGCAGCA
AAGAATCTTGATTCATAGGATACCTTATCCTCCGAAGATTTCTTCTAGGTGAGTTTGCAGATTGCTTGTGTAT
AATCGATGGGTTTGAAGGCGGTGTACTGATGTCATTGTTCTGGATTGTGATTCGTCAATTTGCAGAGAACGAA
GCGATGGCCACATCAAAGAAAGTCATTACAAGGGAAGAGTGGAAGAAAGCTTAACGACGTAAAGATTAG
GAAAGAAGACATGAATAAATTGGTAATGAATTCCTCGTCACTGAAGGTTATGTTGATGCAGCTGAGAAATTC
CGGATGGAGTCTGGGGCTGAGCCAGAAATAGATCTTGCAACCATAACAGATAGAATGGCCGTTAAGAAGGC
AGTACAATGCGGCAATGTTGAGGATGCAATTGAGAAAGTGAATGATTTGAATCCTGAGATATTGGATACAAA
TCCCAATTGTTTTCCATCTCCAACAGCAAAGATTGATAGAACTAATTCGTAATGGAAAAGTAGAAGAAGCTC
TCGAATTTGCTCAGGAGGAGCTTGCGCCAAGGGGAGAAGAAAATCAAAGCTTCTTGGAAGAATTGGAGAGA
ACTGTTGCTTTGCTTGCTTTGAAGATGTTTCCAAGTGTCTGTGCGGGACCTTCTGGACATCTCTCAGCGCTTG
AAGACAGCAAGTGAAGTTAATGCAGCCATCTTAACAAGTCAGAGTCATGAAAAAGATCCGAAACTCCCAAGC
TTGTTGAAGATGTTAATGTGGGCACAAGACCAACTCGATGAGAAAGCAGCTTATCCTCGCATAAATGATTTAT
CGACAGCTATGCTTGAAGATCCTCCTGTTTGAGATATATCATCTCAAATGATCGATCGTACAAAGATGTCTCAA
CGTATTTGATTTGATACATTGTGGAAGGAAAACAAAGGAAGAAAAAATCTTTGGTTTGATACATCTCAAATG
TGTAGGTTCTGTCTAGAAATATGATCATTGTAGTTTCTTGGTTTTAAATTCCTTAGTTACTCTTACTGTTTGTG
AAATGTTATGGTGGTTGTATACAAATAGATTGTGCAACTTCTCTGTTCTTCAAATGTTGAA

>trans_s_1068 XM_002873999|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal
domain-containing protein, mRNA

ATTGTGTTGGAATTTGCGGTATCCTATTTTCCGAGTTTCTCACAGTCCATCCCTTCCCTCTTCTTCCACCATAAAA
CTTCTTCTCAGGAACTCCAACCTGAGTTTGATCCGATCACTTCACAATTCCTTAAAAGACGATCAATTTGACTCT
CCAATTCACCGGGAGTCTGAAACAGGACGTTGCTATTTATGGGTGAGGCCAATAAATCCACCTCCACCGCCG
AGGAGGACTTGTTGCTCAAGACTTTCTCGCCGAGGTTAGCGAAGTTGAAAGAGATAACGAAGTTATCAGGA
TCTTGCTCTGCTTCAAATTGAACCCATTTGAGTATCTGAAGTTACCATTTGACGCATCTCCAGAAGAGGTGAAA
AGACAATATCGTAAGTTATCATTGCTGGTTCACCCCGATAAATGTAAGCATCCACAATCGAAAGAGGCTTTTGC
AGCATTGGCAAAAGCCCAGCAGCTATTACTTGATGAGCAGGAAAGGGATTATATTCTTAGCCAAGTCAATGCA
GCAAAAGAAGAACTTCTAGCAAAGAGGAAGAAACATTTGAAAAGAGATACAGCTTCTAAAATAAAGTCATTG
GTTGAAGAGGGGAAAATATGAGCAACAGTATGAGAGTACAGAAGAATTCAAGCAAGAGCTAAAATTGAAGGT
TCGAGAAATATTAACAGAACAAGAATGGAGGAGGAGAAAGATGCAGATGAGGATTTCTGAGGAAGAAGGCA
GATTGAAGAAAGATGAAGAAGAAACAAAAGAAATGTGGAAGAAAAAGCGTGAGCATGAGGAGCAGTGGA
AGGAACAAGAGAACAAAGGGTTTCAAGCTGGAGAGATTTTATGAAGGGTGGAAAGAAGGCTAAGAAAGGA
GAAACTCGACCTCCAAAGCTGAAGACTGAGGACCCCAACAAATCATACGTGCAGCGGCCAGTAAAGCGAGGT
TAATTGGATCTATTTCAATTAATAATTTGCTCTGCAGCCAAGCTCTGGTGAATTCGAGGGAGACTGGATGTAGG
CTGACACTAGTATGAAATCTTATGATTAGCCTGTAACTATATAGTTAGAATGCAATTTTATTTATACAATATC
AAAGCTGCAAAAATCCTTTTAAGGTTGGTTTTGTTGTTATATAAATAGAGCATTGAAGTAAAAAA

>trans_s_1069 AF386951|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F17L21.8) mRNA, complete cds

TCCCTTTTTGTTTTCTCGCTATCCAAACAGAAATTCGAGTTAAAAGTGAACAAGAACTTTCTGGGTACAAACCA
AAAAGGGTATTTTTAGTTCAATCTTCCATTTGGGTTTTACCGTTTTGGTGTTTATGTGCTGTGGCTTGAATGATT
TCGTCAAGAAACAAACGAAGTTTTCGTTATCACATCTATCCACTTGCTGTTCTTGTTGTTGATGGGTTTTAGTCT
GGCTTTCCAATCCAATCATAGCCCCCTTTTCTTTGATTTATCCATTGCCCTCGACTCTTCAACAAAAGCGTTGT
TGGGCTTTCTTTTCTTGAGAGGTTTTTGCGTTTTTGATCGAAGAACTATGATGCAACGACAGCAGCGAGATG
GGGGGGAATCGAGTGTTTTCTACGAGCTTTCTTCTCTTGTTATGAACATTCTCCGAACCTCTCCGTCGTCGATT
CGTTTTCCGATCACTCGCCGGTGGTTTCAACCGCATCATCGTCGCGACGGACGATTCCAGCGCAGATAACTCC
GGCGGGGTTTGCCTGCTACTTTTAGGAATTTCTCTGGCTCTGATGCTCTGTGGATCAGTTACCTTCTTCATCG
GCTTCATGATGATGCCTTGGGTATTGGATTGGTTATGTTTTCTATGTGCGCGCGGTGGTTTCATGTCTCTCCA
TGATTGGACGCTCGATTATCTGCTATGCCACGGCTCCGCCTAGAAAGGATATTCCTGCTTGAAACTAATGTG
AAGAGGTACATGATGATGGAAAATGGAAATAAAAAAATGTTGTTTACGTGGCAGTGGGCAGCTCTATTTCC
TTGGTGCTGCCTTGCTGGGTGGCTTTCTTCTAAACTCGACGAGGAAGAAGTGTGTTGTTAATATTATATTTTCAT
ACCATACTGGATCCTGTTGATATTGTTTCTGTTAATTTGAAAGGAGCAAAATGTTGGAAGGTTAAGAATATGA
TAAAGAAATGCAAGATGTGGGGGACTTAATTCCATTTCAATTCCTCTCTTACCCTTAAGCCATCATCCATACCT
TTTGAGGTAAATCTGTATTGATTATAGAAGAAAAATAGCTGTTAGGTTCTCAAATATGAATTCAGAACTATGT
TCCCCTCCCCCTATTGTCTTTTTCTTCTCAATATCTTCTTCAAA

>trans_s_1070 BT006248|Arabidopsis thaliana At1g11440 mRNA, complete cds

TGGCATTCAATTTTTGCTACCAAAATTCCAATTAGATAACTCCTATGTGGTTGCAAGAACTTGGGTGAAATTTGAT
AATGGCGTTGAAATGAAAACCCCCCCCCCCCCAGTTTTCTTCATCAGCTTAACATCAGATCTCCAATGGCTTTC
TACGATTCCTATGATTTTTACGACGATTCTATTACAACCTGCTCAAATTGAGCCTCCAATTTGCAGTCCAGC
AACGAGCCTACCTTCTACAATCTATTTGACTACCCACCTCCTTGTTATTTTCGACAGGCTTATGATTCTGAGGTT
GGGTACTTCGCCATTAATGCTGCTTACGGATCAAATTTAGTGAATTCGCCAATTGATCGAACATGAACCCGT
TGACCATGGCGATTATGGCTATGCAATTCGCTACTCTGCCAATGCTTGTTTTCAGCATCGAGTTTCACTTTGCCAA
AAGTATTTGGATACGACCCTGATTTATATAGCGAGGTGTCGACCCAATTTGCGATCTCTTACTCTGTTTCCGAA
TTCAACGAGACAGACTTTGAAGAGTATGATCCAACCCCTTACGACGGTGGATATGACATTTACGAAACCTACG

GTAAGCCCCTTCAACCTTCAACTGAAATTTGTTACCCACCGTCCTCTTCTCCCTTCAAAACCCCCACCGCCAA
CAGCCACCGCCATTCCCATCACCACAATACCCAAGATAGACGAAGCACCAAAGGGGAAAATTGAAGAACAGA
CAAAGCCATCAAGTGAATCAAGCCGATCCAGATTGAAAAACCAACAACAGCTATTCAAGTGATAGCGACA
CAACTTCTGAATCTGGAGAAATTGAGGAAGTTAAAGCGATTCAATTGGGAGACCCGGGAATTGGGTATGGAA
ATGGAAGGGAAGTGAATGAATTTCAAAGTGGGTATGGACTGGAAGCGATGGATCTTTCGAAAAGTTTATTTG
GGTATTGGCCATGTCTCTCACGGGCAAAAAGGCAAACACTTTGTAGGCAACCCAAGAACGGGTGTGGGCGTT
GCCACGGGCATTGCTATTGCTATGGGAATTACGGCAATCAGTGGCAGACCGCAGCAGAGTATCTATTTGGAA
GTCATAATCCATATCTAGATGGGAGAAGGAGAGGAGATGGTTTTTATGGCTATCA

>trans_s_1071 AY054209|Arabidopsis thaliana At1g18720/F6A14_17 mRNA, complete cds

AATGGAAATTTGGGAAAGTTGAATTATACACATTGCGATCTTATCAATCTGAACACTGAAGCCGTCCTGAAATT
TCCCTTCCAAATTTCAACGCGGCCCCAAAATCCAAGTCCAAAACCTCCAAATTTGACGCCATATCTCTCCCATTC
CTCACTCCACACATTGGATTATATATATTTCAATGTGCCTTTTCGCTCTGGTTTTCTAATCCACATCCTCATCT
TCCCTTTTAAACCCACTTGTCTTCCCTTTCTTCTCGCATCCATTTCTTCTGGATTTACCTTCCATTCGACTCG
ATTCTTTACTGATTTCAATGGGTAGGCGTGGATTGTTGATCTCGAGAGGCATTTTGCATTCTATGGCGCTTAT
CACAGCAACCCAATAAATATTTTCAATCATATTCTCTTCGTTTGGCCTATCTTCTTCACTGGGCTCATGCTTTTCT
ATTATACCCCTTCTTCTACTCTTTTCCAAATGCCCTTGTGGCTTCAATACTGGCCTTGTGTTTGAATTTTGGGT
CTTGTTTGCTTTGCTTTATGCTGTTGTTTATATACTGTTTGACAAGAGAGCTGGATTTTGGCTGCTTTTATGTG
TTTTCTCTGCTGGGTTGGAGCTAGTGTTTTCGCTTTTAACTTGGATGGACTCTTACTTGAAGGTAGTGTTGG
CCGCTCAGTTGTTCTGCTGGACTAGTCAGTTTATTGGCCATGGGGTGTGTTGAGAAACGTGCACCCGCTCTCATC
GACAACCTTGCTCAAGCTTTCTTAATGGCTCCATTCTTGTGATTGGAGATCCTTCATGCTTTATTCAAATAC
GAACCGTATAGTGGTTTTACGCCAACGTTAAAGCGAGGATAGAAGCTGAGAAGAAAGTTTGGCAAGACAAG
AAAGAAAAAAAAGCTCTTAGCTCGAATCCCTTTTTAGCTGTATAATAGAGAAGTTATGTCTCAATGCATATG
TCGACGCGTAGTCGATACGTTGTTAGGTGTCTGATTTTGGTTTGGTTTGGTAAATTGTCTAATGGGAAAAAC
TTCAAATTTGTTTTGAAAATTTAGTAAATAGAATTTGCATACTGTTTTCATTTGAATAAGATCAGAATGCTCCC
ATTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1072 XM_002886293|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein S6 family protein,
mRNA

ATCCATATCTACTTCTTCATTTCAACGATTCCACTATGCTATCTCCTTGTTGCCACTGAATTTGAGTCTGCCCCA
ATAGCAGAACTCGTTCGAAATAACATGGCCTTCACTTCCACTCTCACCGCTACTTCTCAACTTCTCCTCTCTCCT
CCAAATCCCCTTCTCTTCCCCATTACGAATCAAATTTCTTCCCTTTACCTCAAACCTCTCAAACCCCTCTTT
TCTCCCGATGGAATCGGCTCTGCTTTGGGTATCGGATTGTCCGTAAGCGCAAACCTCTTGAATTTTCAGGTTT
GTTCTTCGAAGGTGGGCTCGGAAGTCAGGATGAACCGCCTGCCCTCCAGGAACAGGATTTGCCACTGCCCTC
GAAGATAAGGAGGAGCCCCAATGCCCTCCTGGACTTCGAAAGTACGAGACTATGGTGGTTTTGAGGCCCGAC
ATGTCTGAAGACGAGAGACTCGCTTTCACCGAGAAATACGAAGAGTTGCTTGTGCTGGGGGTGCAATGTAT
GTTGAAGTATTCAACAAAGGGCTCATTCCACTAGCATATAGCATCAAGAAGAAAAACAAAGCTGGTGAAACC
AACACTTACTTGGATGGCATCAATCTCCTTTTACCTACTTCACAAAACCCGAATCAATGGCAGTTCTCGAGGC
AACGCTTCAAGCAGACGACGATGTTGTTGATCGATGAGTTTCAAGGTAAGGAAACGAAAATTCTAAGTATGC
CTTAGCCTTAAATATCTTGGTGTTCACGTCATCATTTGGACAAATTTTATTCAAAGCAATGGAAAAAGATTTGT
AGTTGCCAGTTTGTGCTTTTCTTGTCAAATGAGTGCTGCTATTGTGACAACCTCTATGGGCCATTTAGGCTTTA
TCCATAACCATCTGATTGCTGTTCTTCCATCACAGCCTTCCAATGGAAGTACTATTTCAAGTTGGAAAAAGA
AAAAAAGAAAGAAAAAGGAAATATAGATTAGATGTTGATCTTTCATAGCTGGAAAATCCACTTAGTGACTTC

AGGATTGTACACAACATTTCTTTTTATTCTTCCCCTTTTTCTCCTTTTTCTTTTTCTTTGTTTCCTACAAGCCT
CATATTTCTTCTCCCCTAAGATTCTCTGTGTTTTTTATCTTCAAACCGATCACAAACCCTCCCTAATTTCTGG
AGCTAATCTGTTGGAGAAGATGAGGGTTTTGACTAGTAATCTTCTCCTCTTCTTGCTCCTTCTTCAAACCTTA

TCAGGATTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTGTAAACGCAAATCCAAGGAGAAAAACACAGAATGGTTCCTATGGCGA
GATTGTTTGGGCCAGCCATATTTGAAGCTTCGAAGCTAAAGGTTCTGTTTTAGGGGTGGATGAGAAGAAACA
TCCAGGCAAAATTTCAAGGACTTATACGCTTACACATAGTGATATTACTTCTAACTTACTCTTGCCATTTCTCA
ATCCATTAACAATTCTCAGTTACAAGGATGGTATAATTGGCTTCAAAGGGATGAAGTGGTAGCAGAATGGAA
GAAAGTACAGGGGAAAATGTCCCTTCATGTTCAATTGTCATATCAGTGGTGGCCATTTTCTTCTAGATCTCTGTG
CTAATCTCCGATACTTCATCTTTCGAGAGAACTTCTGTGGTGCTGAATGCTTTCGTCCATGGAGATGTGGAC
TTGTTCAAGAATTACCCAGAGCTACAAGAGGCTATGGTTTGGGTTTATTTCCACTCCAAAATTCGGGAATTCAA
CAAAGTAGAATGCTGGGGGCCACTAAAGGATCCAGCCCCACCTTCAAGTGGGCTTGATGGGCGGCCCAAATC
AGATGAGCCCATGTGGGAATTGAGCCGGATGGAGCGGCCCAAACCTTGCCAAGAAGACTGCAATTGTTGCTT
CCCAACCATCCCTTCCATTTTCATGGTCCCCAAGAACAGTGAGTTGGAGAGCACGTGATTGATTTTATTTGGCT
CCCCCTTAAATGTAAATAGTTAATATCAATATTTGTTGTTATTATATAATATAACATCCATCCCTATTCCTCCAAT
GTTTTAGTCCTTATATTTAATTCATTAATCTTTATAGTATCTATGATGTGAAAGTAGGAAAGTATCAAGGAAAT
GTTCTTTGATGAACTATGACCAAATTTCTCCTTATATTTTG

>trans_s_1076 AB010946|Arabidopsis thaliana mRNA for AtRer1B, complete cds

AAGAGTTTTAAATGACGGACCAATTATCTTCCGTTCTCAATGGGTGACCCAATCTTCAATGGTGTTCTTCTT
CATCTTCAATTCCGTCAGTGTAAACAACGTGTTAAACCAATTTGTTTATTGCCTTCTCTATCGTTTCTTAAATTG
GGTGTGGAATAATCAAACAAAATAAGAATATTATTGTAAATTTAGAACAAATTAATATTGCAAAAATCAGA
GTCCCAAAAACCTCGTAGATCTGCTCGTTTACGCTTCCTTACCTTTCCAATCTCCATTTTTTCGTATTCATTGAG
CTTTCAAAGCTTCTCCAAGATAGTGAAGCTTTTAATACTCAATGGACGGGATAGGAGGTGAAGCTGCCTCAG
GGGCAGGACCTTTGAGCCAGTGGCAGCATGATGTTTCAAGGCTTTATCAATATTATCTGGATAAGATTACTCC
ACATGCTGTCTACAGATGGATTGGAACCTTTTTATAGTGGCAATTTATGCTTTGAGGGTCTTCTATGTGCAAG
GGTCTACATTGTTTCTTATGGTCTGGGTATTTATATACTCAATTTATTGATTGGATTCTGTCCCCCTTAGTTGA
CCCAGAGATGGAAGTTTCAGATGGGCCTTTGCTGCCTACTAAAGGTTTCAGATGAATTCAGGCCATTCATTCGC
CGACTTCCAGAAATTAAGTTCTGGTACTCTTTTACAAAGGCCTTTTGCATTGCCTTTGTTATGACTTTCTTTTCCA
TATTTGATGTTCCCGTCTTCTGGCCTATTTTACTTTGTTACTGGATTGTCCTTTTTGTCTGACAATGAGGCGTCA
GATTTCTCATATGATCAAGTACAAATACCTACCATTTAGTTTTGGAAAGCAGAAGCATGGTGGCAAGAAACCT
GCAAGTAGCGTTATCACCAGCGATGATTGATCTGTGGCTTATTATTTACAGCAATTAGTACAAGTACTGAATG
GAGGGAGAAATTTAGAGACTCGAATGTTACAGTAGCAGAAAATTTTTCCATAAAATTTACTTGTAGTTAAG
ATTGCATATGGATTTAATCATTAATAATGATGATGCACAGGACATGATTATGCCAATTTCTTTATGATTAAGTGA
AGAACTGCTGTTGTAAAAA

>trans_s_1077 XM_002889654|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T27G7.21, mRNA

GAACACAGATGGGCGATTCAATTCTCCGAGGAGCTAGAATGGCCGCCGATTAAGCTTAATCAACCGCTCGATT
TCCAGGCGGAGCCACCGTCCACCATCTTCTTCACTCAACCTACTTTTTCCGAGCTGGCCCCAATGAGAACGT
CGACATTTCTTCATTCCGCCTACTTCTTGTTTCCCGTTCTGTTGGCTTACCTGTTTCGACATCCAGGAAATCCATTCT
TTTTGTCGCGCCCTGTAAATTCAAACCCGCGTTCTTCAATTTGCGAGCTAAACCGGACCGGCTGGTTGTATTTT
GTTATGGGGATTCCGAGAGATCTGTACGGGATGAACAGTCTATTGGGGTCGAAGATTGCAATGTGACTTTGG
TGGAGGAGAATGTAGAGCGAAATCGATGGAATGTAGAACTGGGTACCCCTAGTGTTGGATTTTCAGCTGCTCC
CCAAATTGAGCTTGAGCGACAAGGCTTTTCTTCTTCTTGACATTCATTGCCCTAACGACTTCTGTGGCATTACAA
GCCTTGTCATTGCAGCTGTCCCAACGCTTAATGCAATGCGCAGAGCAGCCATATCACTTTCAAAGCTAGCTGAC
ACGGCTCGTGAAGAACTTCTGGTACAATGGCTGCCATTAGACTTTCTGGCATGGAGATCAGTGATCTGACTC
TTGAATAAGTGATCTAAGCCAGGAAATAGCTGATGGGGTAAACAAATCTGCTCAGGCTGTCCAAGCAGCCG
AAGCTGGAATTCGCCAGATCGGTGCACTAGCCCAACAACTATGTCAATGATTCAAGAGAGAGCAAGCCT

GCCAATTATTTCTTTACAACCCGTTGTTGCTGGAGCAGCAAAGAAGACTTCTCATGCCGTTGGCAAAGCTACAC
GAACCATTATGAAAATGATCTCAGGAGGAGAAAGTGTGGAGAATGATGATGATAATAGTTTAGATAGACTGG
AAGTTTGACTGGTTCCTTGCTGAAATCGAAATCAGGGTGTAATATTACACGAGCATATATCATGTACTTGTCA
ATACGACGATGACCCGAAATACATGTTGAGACACTTAAAATTTGAAAATCTTTAAACAAAGACATTAACAGCT
TTAATCTTTTTTCTCCACCTGATTTCCAGGATCTGTATAGGCTTTATCATTTG

>trans_s_1078 AF499724|Thellungiella halophila aluminum-induced protein-like protein mRNA,
complete cds

AAGTATCTCTAAACTCCAGGTCCTCCGTCTTCCAACGCAACCGATCTTTCATCACCTGTTTTGCATTCGGAAAC
GAAACCAACCGTGTGTTTTAGTTTTCTATTTTCTGATCGACGATCTACAAAATGCTCGCCGTCTTCGAAAAATCT
GTCGCCAAAAGTCCCAGCTCTGCAGAGCCCTGAGTCCGATTCCACTTGGGCTCTCAAAGATGGAATTCTGG
CTCAGCATTTTAGCTCCGCCTATCCTGGTCTGTCTCATCGTCAACCTCGGCTCCGCCGTCTCTTGGCCTATTCCG
TCGAAAAACAAAACCTCTCCTCCCAAGATTATTTGCGGTTGTGGACGACATTTTCTGCTTGTCCAAGGGCAC
ATTGAGAATGTTGCTCAACTCAACAACAATATGGTCTGAACAAAGCTGCAAACGAGGTTATAATCGTTATTG
AAGCCTATCGAACATTAAGAGATCGGGGTCCATACCCAGCCGATCAGGTCGTGAGAGATATTCAAGGGAAAT
TTGTGTTTGTCTATACGACAGTTCCTCAAAAACCTTCATTTTTCTGTTCTGATGCAGATGGGAGCGTCCCTTCC
ACTGGGGAACGATTCTGAAGGACAGCTTGTCTCTCCGATGATGTTGAAATCATGAAGAAGGGTGTGGAA
AATCTTTTGTCTTTCCCCAAAGGTTGTTTCTTCACAACTTCTGGTGGGTAAAGGAGTTATGAGCATCCACTTA
ATGAGCTGAAGCCAGTGCCAAGGGTGGACAGTTCAGGTAACGTCGTGGAGCCAATTTCAAGGTGGACGCTG
AAGCTCGAAAGGAAAGTTCTGGTATGCCAAGAGTTGGGAGTGCCGCAAATTGGTCTTCAAACCTACTAAGTGC
ATAATTCGGCTAAGGCCTTTGTTTACTTTGCCTTAGCCTTCTACGCCTTCTTCCATATTTCCATATCTCCATCTT
TTATTCCTCTAATTTGTGCCTTGTAATGGGTACCTGAGGTATATACTTTTACCTTCCGTAATGGGCATGTCCAT
GAAGTTACAACCTATATCTTGTGAATCTGTTGGCTTAACCTGAGTTGCATACTGGTTACGATGGAATAAGAGTTT
GTTTTCTAATGCTTTGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1079 NM_001050373|Oryza sativa Japonica Group Os01g0674100 (Os01g0674100)
mRNA, complete cds

TTCTCAAAGAGCAATATCTTTACCATCATCGCCTCACGTGTACAGGGGTCAAACCTCTGATGGAATTGGGCATT
CAGCGTACGGGAATGATGAATTAACCTTTAAATGGACTAAAGTTCTTGAATCTTTCTCCTTGAATGACAAACCA
TTGTTACCTTACCCAGAGTGGAACATTGATTACTCAGAACTGACAGTTGGAATCCGTATTGGAATTGGGTTTTT
TGGAGAAGTTTTCCGCGGTATTTGGAATGGAACAGATGTCGCAATCAAAGTTTTCTAGAACAAAGATTTAACT
CCTGAGAACATTGAGGACTTCTGTAATGAGATATCAATCTTAGCCGTCTTCGACATCCTAATGTTATACTATTT
CTGGGGGCATGCACAAAGCCGCCACGCTTATCAATGATCACCGAATACATGGAAATGGGTTCCTTGATTCCCT
TGATTCATTTGAGTGGTCAGAAAAAAAAAACTTAGCTGGCGGAGGAGACTGAAGATGTTGCGTGATATATGCA
GGGTTTGATGTGCATACACCGAATGAAAATAGCTCATCAAGACCTGAAAAGTGCAAATTGCCTAGTGAACA
AGCATTGGACAGTTAAGATATGCGATTTTGGACTTTCAAGAATACTGACAGATACTCCAGCAAGAGGGTCTCC
ATCTGCAGGAACTCCAGAATGGATGGCTCCTGAGCTCTTTCGAAATGAGCCCTTCACTGAAAAGTGTGATATC
TTCAGCCTGGGGGTCAATTATGTGGGAGCTATGCACGCTAAACAGACCGTGGGAGGGTGTCCACCAGAGCGG
GTAGTTTATGCTGTTGGCACTGAGGGGTCCCGCCTCGAGATTCCCGAAGGCCCGCTTGGCAGGCTTATATCAG
ATTGTTGGGCAGAACCAATGAACGGCCAAGCTGCGAAGAGATCCTCTCGCGCTTGTGGACTGCGAGTACT
CACTTTCTTGATATGGTTTTATTTGTTTTGTTTTTGTGTTTTGTTTTTCTGCTTTGTTTTTGCATGTG
TACAGAAAACCTGGTAGAGGTGCTACTTTTGATGTTCTCGGCTCCAATTGGGAACTCTTGATGATTTTTCCAAC
CAATTGATATACAGTTTAAAGGAAAAGAAAAAAAAAACCTGTTGGTTTTGATCTT

>trans_s_1080 NM_100830|Arabidopsis thaliana emp24/gp25L/p24 family protein (AT1G09580)
mRNA, complete cds

CTATAAACACTTTATAAAAAACATCTAACCAAGAGGTAAGTGTTTGGTTTTAAATTCATTTAGAAGAAAATGTTT
AAAAGGTTCTTCAAAAACATTTTCTTAAAAAAACAAACAAACCCACCCTTAATTGTTTGTGAAAGAGAATTTGG
AGGAACAAAACAATCCGAAGAGAAAAGTCGGGAGAAAATCAGATTACCAAAGTCATTGGCTTCTTCTTCTTCTC
TTCTACTCTTCCATTTCTAATCTCTGATCTGAAACCACCAATCGGATTCCATTTGCGATTTCTAGATTCGGAAAC
ATCATGCGCCGGGAAGTTGTCTTGCCGTTGTTCTCTCTGTTTCTTCGCCACAGATCTTCTTGAAGTGTCTCAT
TCAATCTGGTTGAACTTGCTCCATCTGGAACCAAGTGCGTCTCCGAGGAAATCCAGACCAACGTTGTCGTTCT
TGCCGATTATGTCGTCGTCGCTGATCATTCTCACTCCCCACCTTCTCTATCAAGGTGACATCTCCATATGGGAA
CAATCTTCATCACTCGGAGAATGTAACACACGGCCAGTTCGCATTTACGACCACTGAGGCTGGTAATTATCTAG
TATGTTTCTGGTTGTCTGACTACAAACATGAAGCTGGCAATGAGATAAGTGTC AACCTTGATTGGAGAACTGG
TATTGCAGCCAAGGATTGGGAATCAGTTGCAAAAAAAGAGAAGATTGAGGGTGTTGAACTCGAGCTGAGGA
AACTGGAGGGGAGCAGTTGAAGCTATTCATGAAAATCTACTCTATCTCAAGGACAGAGAAGCAGATATGAGGA
CGGTGAGCGAGAGGACAAATGCACGAGTTGCGTGGTATAGCCTCATGTCCTTGGGTGTGTGCATTGTTGCTTC
TACTTTACAAATATTGTACTTGAAGCGATTCTTTCAGAAGAAAAAACTTATTTAGAGAGTCTTCTACTCATGTTT
CAGAAAGAGATTGTTAACTTATTTAGTTTTATTTCTTTATACAAAGTAGAGAAGTTTTGACACGAACTGCAAGC
CATGCAAAGCTTGTTTATAATTTTTATTCCAGATTTTTGTGTTTTCTTTTCTCTGTTGCTTTGATAGAATTTAGT
GAGTTCTGCTTGTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1081 HM802936|Carica papaya cultivar Solo eukaryotic translation initiation factor 4G
(eIF4G) mRNA, complete cds

TCAAATTATGGGAATAAGGATTTGAGACATTCAAGTCGGAGCTTTGATAGATCTCCTCCAATTCGCCTGCCAC
ACCACCGGGGCCAGCTTTGACCCCAACTCTTCCATCTGAAAAAGTACTGTCTGAAGATCGGGTACAACAATTG
TCATTGACAGCAATCAAGGAGTTTTACAGTGCCAGAGATGAGAAGGAAGTGGCTTTGTGCATTAAAGAGTTG
AACTCTCCAGCCTTCCATCCAACCATGATCAGTCTGTGGGTACGAGCTGTTGAGAGGACGAATTTGGAAA
GGGATCTATTGGCCAACTTGTTGTTAACCTCTCGAGGCCTAACAATGGCACATTGAACCAGGCTCATCTTGTT
AAAGGGTTTGAAGCAGTTCTCGGCAATTTAGAAGATTCTGTAAATGACGCCCCAAGAGCTCCAGAATATTTGG
GTCAAATCTTGGGAAAGTGATCACAGAAAGCATGGTTTCTTTAAGAGAAGTGGCAGATTGATCCGTCAAGG
TGGAGAGGTACCTGGGAACCTTCTTCAATCCGGGCTTGGAGCTGATGTTCTTGGCAACATTTGAAAAACAATC
AAAACAGAGAAAGGCGAAGGGTTCTTAACCGATCTGCGCACAAACTCGAATTTGCGGTTGGAGACGTTTCTG
CCTCCCGACCCTGTGAAATCAAGAGTGTTAGAGGAATTTATTTAGGAGTAGTCAATCAAATTGCTGCTGCTG
TAATTTTGTTAGATGGAATCGTGATCATCTCTCCAATGCTTTTTTAGTCTACTTAAATTAATTTGCAAAAAAAG
TAATTTATATATTTTCTTTTGAGGGTTGGGTGGTAAATTTCAATATAATTGGGGTTTATCCATCATCATCTTTT
AACGTAATTAATTAACAATGCCTTCTGAAATTATTATTATAGAATAGGTTGAGGTTGAGCTGAGAGTACCAA
GAAAACATTGAATTTCTCTCTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTATGGTTCCTTCCTGCTTTGAATGTTG
TGGAGTGCTCGTTTAGTTGTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTATGGTTCCTTCCTGCTTTGAATGTTG
CACGATTTATTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1082 AY050331|Arabidopsis thaliana At1g67700/F12A21_30 mRNA, complete cds

CTCATTTCCAATTACAATATGCTCATATCCACTTCAAACCTTAGCTCACATCAAATCCCATCGCAAAAATGGACGT
CGCCATGTCTCTCAACGCTCTGGTTCGACTTCCCCTTTCCAATCCAAGCTACACGAAGATGGGTTGGTCCGCC
ACTCTCTCTTCTGCAAGGACGATGCACAAGCCTGAGCACACTTATCGCCGGGCTTTGTCGTCGAAGCCAAA
GGCAAAAAAGGGATGCAATCTCGTCTGTCTCAAAGACCTGGCCCTCCTCCGCTGCCCAAGATTGAAGACGATG
GCAACCCTAAATTCGTTATCTTCATCCGTATGGCCAATGTCTATTTATGGTACCCGCTGAGTCTTATAAATGGTG

GCACAACCGCCAAAATCATGGTTGCTGCAAAAGATAATTTTCTTGGGAAATATATCTATAAAAGATACTCTGGC
AAGGAACCTTGCCGCTGTTATTTACCGTGATGAAAAGGAGATACAAAAGACGGCATTAAACAGTTTCGTGTG
TTGCGGACAGCAACAGAGTTTACAGATATGGCTACAAGCTTGTTGAAAATGGCAATTTGAGATCCGCACTTTCTA
CCACAGATGTAATTGAGCTTCCAACCTCAAGACCAGCTGAAGACAGTTCTCGATAAAGTTAAAGACTTCTTTGG
AGATGCAAAGGAATCATTTGGCAAACCTCACTGCACTAGGCTCACCCGAAGGCGAAGAGGCAGACGAGAAGCTC
TACAGAGAAGGCCAAGGTTAAACTTGAGAGTGAAGTGGTCATTTTACCGGAAAGGGCAGCAGCACAGAGA
ACATTTAACTCGAGCCTTGGAAGGTACATAGAAGGGTGGAGTAGCAAGGCTTTTTTGGCATCCAAAATGTAC
GTAGCTGAAAAATTAGGGAGCTTTACACGTTATTTTCGATGAAGATACGGCAGGGTATTGTACACAAGTTTCA
CTGATGGTTTTTGTTCACAAATCTTGTTCCTTTCTGATATGCTTCCTTCATTTATTTGAATGGAAAGACACT
CTTCATTCTTTCACAAAAAATTAATAAATTAAGAATCAAAAGATCAATAAACGA
CCTTCCAATTATACATTTGGTTTACACCAATTGAACTCCTCCACAACCTAAATT

>trans_s_1083 NM_122974|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT5G35830) mRNA,
complete cds

TGTAGGAGGAGAAAGCTGCTAAGAAAGAAGAGATGAGAAAGTCGAAGAGTTTCCCTTCAATTCCAATTCAAA
GTGGTTTAAGCCTAACTACTACTACTACATCTTACATCATGAGCAAGTAGAGATTGTTGTTGAAGGCCAACC
ATTATTCCTCCCCTGTCTACAGCGGCTGACGACTCCCAATTTCCACCCACTGCTGCTGATCAGTTAACATTGTGC
AATACCACGGAGCCGGATAGCCAGACAATAAATGGTGCAGTAGCAGATAATCCTGATCTAAAAGCCAAGGCT
CCAAGTTTTGGTAGTATTATATATCACGAATTCAGAAAAAGCTTACTACATCAAGCTGCATTGGGCGGAAATT
GGGGAATGGTTGAATACTTGTTAACGAAACAAGAGTTATGGGGAACATTTAGTGTAATTGATTCAATAACAA
GAGATAAGGAGAACCTTCTTACATTTCTGCTGGATCAAAACATAGTGGTTTTGTAGAAAAGTTGATGGAGAA
AATGAGTTCAGATGAGGTGACATTGAAAAACAAACATGGAAACACTGCCCTTTGCTTTGCTGCTACATCAGGA
GTTGTCAGAAATGCTGAGTTAATGGTGAAAAAGAACTCTGATCTTCCACTTATTCATGGCTTTGAAAATAGAAC
TCCATTGTTTCATGGCCATTTCTTGTAACGTAGAGAGATGGCTTCTTACCTTCTCCAAGTCACTGACATCAATAA
ATTCAACATCCAAGAGCAAGTTGAGCTACTTATTGCCACCATACATAGCAACTTCTATGACATGAGTTTGAAGA
TTTTTGAAGAAAATTGCAACTTAGCAATTGTGGAAGACGAAAAAGAACACAATGAGCTTGCAATTGCTTGTGCT
AGCCAGAAAATCATCAGCAATCGGTGGCAGGAATACATTCAACATTTGGAAAAAGTGCATCAATAATCATTGC
TTCAAAGGAATCTACAGCAAAGATATGATGAAGAAGTTGGCTCGTAAATTAGTTAAACAATTATGGCTGGCTT
TTCAGAAAAACTTCCCACGAGATGACAACTTCATTAACCTATCTACAAGACTACTACACGATGCTGCAAAAGCA
GGAAACGTTGAGTTTATAGTTCTACTAATCGAATCAAATCCAGTCATTGTATGG

>trans_s_1084 XM_002324294|Populus trichocarpa chorismate mutase (CM2), mRNA

AATTCACCGTTTCAGAGCTTTTCCCGTGTCTTCTTCCCCACAGCCACAAGTTTTCGAGCGCTGACATTTATCGT
AATTCTCTCGTATTTTCGATCTTCTTGAAGTTCAGAGCAAATTAGCTAGGGAGTTGAATTGAATCGAGCAGAGA
AGCTATGGCCAATGTTAATTGTAACCCGAATTCCGCTTCGGATACATTGACACTTGATGGGATTAGAGATTCTT
TGATAAGACAGGAGGATTCAATTGTTTTAGTCTCATTGAGAGAGCTAGGTTCCCTCTCAATGGGAAGATGTA
CCTCCATAATCATGCTTCAATTCCTGGATTTTCTGGTCTTTGGTTGAGTTCATTGTGAGAGAACTGAGGCCG
TTCAAGCTAAGGCTGGTAGATATGAGAATCCTGAAGAAAATCCGTTCTTCCAGAAAATTTGCCTCGTCTTTG
GCGCACCTCACAAATATCCAAAGGTTTTGCATCTTCAGGCGCTTCAATTAATATGAACAAAGCCATAGGGG
ATTTCTACTTCAAAAAATTCTTACCATTGTTGGTTGCTGATGGCGATGATGGAAATTATGCAGCAACTGCTGCC
AGTGATCTTGCTTGTTCAGGCACTTTCAAGGAGGATTCACTGTGGAAAATACGTAGCTGAGGTGAAATTTA
GGGACGCCCCCAATGAATACGAGGGTCCAATTCGTTCTCAGGAAAGAGACACTTTGATGAAGCTATTAACATT
TGAGGCAGTGGAAGAGCAGGTGAAGAAGAGAGTAGAGAAGAAGGCTATGGTGTTTGGGCAAGAAGTAACC
CTCAACAACACAAGTGGAGGAGGAAAGTATAAGATCGATCCATCCCTTGCCTCTCGCTTTACGACAATTGGG

TAATGCCACTCACTAAGGAAGTTGAAGTCGAATACCTTTTACGTCGTCTTGAATGAATCTATCTAATAATTATAT
GCAATGACCAAAACGAGCAAGGATTCACAAAGTTTATAGGTGTTATCGTCTGATCATTATATCCCTTTTTTGA
AATCTCAATGTCGTCATCTTTTGAATGACGATGGAAGTAATTGACTCGAAGATTTGATCCTAAAACTTGTGT
TAAAAGTTTAATGATGCTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1085 NM_001048652 | Oryza sativa Japonica Group Os01g0166700 (Os01g0166700)
mRNA, complete cds

AAAATCTGAAGTATAATAATTAGATATCGGGAAGAGAGAGATTGAATTTAAATTGAAAATTGCAATTTTTCAA
ACCAATTGTTGAAGAGGAATTCATTCTATCGTCGACGAAGAAGGGAGAATCATAGCCTGGCTGTCTAACCGAA
GGCATCAGGCGCTATGGATTGAGATTTGCAATTGTTTTCTTCTGTGCTGAGTGTTGCTTGGGGTTGTGATG
CTAGAAACTTAGCGTCATTTGATTCTGAGTTAAGTTACCTGGAGCAAGAGAAGGATGTTGAGGCTTTATCTGA
AGCTTCCAGCAATCCAAAGATATGTACACTTTGTGAGAGCTTGATCAGTCAGGCAGTTGAATACTTTGCAGAT
AACCAGACCCAGAGTGAGATTATTGGTCTTCTCCGGCAAACATGCGGTGTGGCGGGCGTGTTCAGGAGGAG
TGCATCAGTCTGGTGGACAGCTATGTGCCTCTCTTCTCTCAGAGATTTCTCAATTGAACCTTCTAGCATCTGC
CAATCAGCCCACTTTTGCAGCAAGTTACTATAATCTCCTCGCTGTTTCAGGACCATAATTGTGAATTCTGTCAC
CAGACTATTTCAAAAATATTGGATAAGTTGAAAGATCCTGACACACAGATCGAGATACTTCAGACACTTCTAA
GCTTGTGTGACTCTATTAATTACGCGTGAAAGAGTGCAAGAAATTGGTATTTGAATATGGGCCTCTGATCCTT
GCCAACTCGGAGAAAATTCTGGAACAAACAGATATTTGCAAAGCAATACACGCTTGTCCAGCCAAACCTCTTG
GTGACAACGCTGTATCATCTGTTGGAAGTGTGCCTTCGCTTGCCGACGCCTGAACTCGCGCACCAGACATGAT
GGAGGGATCTACATATATGGTGTATGAAAGAAAATGGGTAAGAAAATGACATTTTGTTCGCTCTCTCTGTCT
GTTTCATGAATCTGATATGATACAATCTTTGTCCATGGATGGTCTGTGTAAACATGTACATTGATATGTGGGTAT
ATATGATTGGCTGTTGCATTGTCGAGTAAATGATTAAGATGCTTTGTTGGTAGCTGTTCAATTTGAATTTT
GATGTTGACTTTGCTTGAGATGGAAGTGGAACTATTGTTGATAATGCTTTG

>trans_s_1086 AY104081 | Zea mays PCO086223 mRNA sequence

ACGAAACCCTAAAAAATAGAAGATTCATCGTCATCCCAATCGAGGGTTTCAAGTGTGAAGAACCGAAGCTTT
ATCACCATCATCATCTCATTAGTTCGCCAAACCTGTTTTCAATTTAGCAGTATAAACTGCAACGAAGTA
GAAATCTTATTCTTTACCTAATCGGCGGCGGAATCCGGTGGAATGGGGAGAGAACTCCAAAAGCAACCTCA
GCAAGAGATGGCCTCCGCCGTGGAGCAGTTGCTCGCCGTGAATCCTTACAATCCCGACATTCTCCCGATCTC
GAAAACTACGTAAACGAGCAGGTCTCGTCAGAAACGTACAGTTTAGATGCCAATCTATGCCTTCTTCGTCTCTA
CCAGTTGAGCCAGAGAGAATGAGCACCCAAATTGTGGCTCGCATTCTGGTGAAGGCTCTGATGGCAATGCC
GGCTCCGGATTTACGCCTGTGTCTTTTTAATTCCAGAACGTGTGCAAATGGAGGATCAATTCAAGACTTTGA
TTATACTTTCCCACTATTTGGAGACTGGAAAGTCCGTCAATTCTGGGATGAAGCTGCCAAGAACCGTCACATA
GTTGAAGCTGTGCCAGGTTTTGAGCAAGCAATTCAAGCTTATGCTGTCCATGTTCTTTCTTAACGTATCAAAA
GGTTCCTAGATCTGTGCTTGCAGGCAATCAATATCGAGGGCCTGTCGTTGGACAAATTCCTTGAGCACCAA
GTTGCAAACTCTGGCTGGATTCTTGAGAAAGGTGGGAAGGGCCAACCTATTGTTATACCACCCAACGAATTCA
ACCATCCTGAACTGAAGAAGAAATCCTCCGATAGCATTCCCTTGATCATTACTCGCATCTTCCGATTCTTG
GCTAACTAACCCGGTCACCGGTAATAATGTTGTTACATCTATACATTCCGAATTTGTTGCGTTCCTTTCTTTT
TGGGACTACTGTGAGGCTGCTGCTATATTATTGTCCAATTTCCATCTATGCCATAGAATGAAGAGATTACCTC
GTAGGGCAGTTAGTCTGATGGTTATATTTGTACTTCATCATAACATTTTATGGGTCATAGGTCATGAAGGCAT
ACTGAGGTGATGAGACGAGGCGCTTTGTATGTAGCGTATGGCTCTCCT

>trans_s_1087 NM_001059352 | Oryza sativa Japonica Group Os04g0430200 (Os04g0430200)
mRNA, complete cds

>trans_s_1088 Y10804|N.tabaccum mRNA for ubiquitin activating enzyme E1

>trans s 1089 X58577|P.crispum CPRF2 mRNA for DNA-binding protein; bZIP type

TCGAAAATGGTTCGGAGTAGTTCTGAACGATATCGTGTGTTTTGAAGACTCAGCTTGATATGGCTTGCGCTG
CTGTGGCTCTGTGCGGGGCTGCTTCTTTGGAGCCCAAAGGTCCAGTTCAGCCAGCCGATCACCGGGGGCAAAC
ATCGAATGCATTCCAATTTGGCATGCAAGCTCCGGGCCAAGGTTCTGATCGTGGCACTTCAACAAAAGAAAGT
GAGGTTTCTGGTAGTCCCCTTGAATTCCATCCTTACCTGCAATGCCTAAGAAACCAGGGGTACAACCTGCTCA
AACAACAAGTGGATCATCCAGAGATGAGTCTGACGATGATGATCTTGAAGGAGACATTGAAAACATTGAGAA
TATGGATCCTGCTGATGCAAGACGCGCTAGGAGGATGTTGTCAAATAGAGAATCAGCAAGACGCTCCAGACG
ACGAAAACAAGCACACTTGAATGAACTTGAGACACAGGTTGGTCAACTTAGGGTTGAACACTCTACTTTGTTA
AAGCGTCTCTCAGATGTAAATCAAAGTACGACGATGCTGCTGTTGACAACAGAATTTTGAAGCTGATATCG

AGACTCTAAGAGCTAAGGTGAAAATGGCTGAAGAAACAGTGAAAAGAGTAACAGGAGTGAATCCACTGCTT
GTTGCAATGTGCGACGCCAAATGCCATTTGTCAATAGTAACCAAATGCCTATGCAAACCAACTCAATTCTT
CCATCAAAACATGTCTGCATTTGCAAACAGTCCCCCAAATCACCAGAATTTGGAAGTTCCTGTGCCACCTAATC
CTCCTACCATTCAACATGTTGGAAGATCACACAATGACGTGGCAACCGAAATGACTGATTTGCCCTCTGTCCAT
ATAGATCACGTGCAGAAACAACCCATGCATGCCCCAATGTCAGGTTGGGATGCAGAACCTTCACATGCAACCC
CCAACCACAAGAAGAATTGAACTTGTTCTTTTTGTACCAATTTTTCTTCTCTTTATTATTATCAAGGGACTAATA
AGAAATGAAAAATACTCTTCTTACCTATCATTTTCATTTATCCTCCACTACTTTGTAATAAGACTTGGATCTTTA
CTTGTTAAAGTAGGTATTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1090 AY054493|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g42570; K16E1.4) mRNA,
complete cds

TTTAATGCTTCAGCTCTCGTGAGGTTGTTCTCTGTTCAAGTATTACGCCCACCTTCCTTCCATTGCTTCCACTC
CACAGCCCATTTTCATGATCTTTGGCCATACCCTTTTTCTCCCTCCATCATTTTTACACCTTCCCTCTCATAAATTC
TACCCCAAGATCCAAAATTTTCAAATCCTGAATCTCATCTTCATTCTCTCCAAATGATTGAGCTATTGTTCACTGT
GATTATATCGGAGATGGTTCTGATTTTGCTCTTTTCTTCAAAACCCCTTTGAGGAAGCTTGTGATCTTGGCCGT
CGATCGGATGAAGCGCGGTCTGTTCTATTATGGTCAAGACCGTCGCTGGAAGTGTCTTATTGTTTTGCTTT
CCAGTGTTTACAGTATGGTTACGATCCAGAAGCGTTGGATCGATGATGGTGCCATTAATCCCACCGATCAGGT
TCTCATGGTCAAGCATCTACTTGAGGCCACGCTTATGGGGGGCTCTTATTCTGGCACTTATGATTGATAGAT
TACATCATTATATGAGGGAGTTGCGTCTACGGAGAAAAGGCATGGAAGCTATCAAAAAGCAAAGCCGAGCGT
TGGAGGATGGGAAAGTTAGCAAGTCGGAGGAGATCAAAGCATTGGAAGAAGAGAGGACCACCTGGAGAC
AAAATCAAGCAATTGGAATCGGAGCTTGATTCAAAAACAAAAGATGTAACAGCTTCAGAAGCCAATGTAGTC
GCTTTAAGGAAGCAATCTGAAGGATTACTCTCGAGTACGACCGTTTACTTGAAGAAAACCAGAACCTTCGGG
GGCAATTACAATCTGTGGAGCGCAGATTGTCTCGATCAGGAAGCAAGAAAAATTCCTAAGGAACCTCCACATA
GCTTAGTAACGAATCTCACTTCTTCAAGTTTTGCGCTTCGATTTCCCTCATACTGTTAAGATCTGGGTATTCC
ATGATGGGTTGGTGATGGCTGTTTACTTCTTATGTATGCACAATGGCAAGAGAAGAAGATAAGTTTTTGCTT
CTTGTGTCTGATTAAAGTAGGAAGGTAAAGCAGTGAAACAAGAATGAATTCTACTGAAAAACAAAATTGTGAT
AAATTCAAGTTTGTAATAGAGAACACTTTCGCTTCTGGCATTCTTCTG

>trans_s_1091 AJ697696|Nicotiana benthamiana mRNA for ALY protein (ALY617 allele)

TCTTAGGTCTTTATATCGACTAAGAAAATCGGCCTCCATCGCCAAAGCTCTCTGCCCAAACCATTTACCGTCGC
GGAATCTCCCAAACCTAACTTCCCTTTTTCTTCTTAGTCTTCTTTTTCGATTACTTCCTTCACTGTTTTCGTCCA
ATTTCCCTTCAACCATGGCCGCTCCTTTGGACATGAGTCTTGACGATATCATAAAGAACAACAAGAAATCCAGA
TCCGGAATTCGAGAGGACGCGGAAGAGTTCTGGACCTGGTCCCCTCGTCGATTTCCCAATCGCGCCGCTA
ACCGCACACCTTATTCCGCTCCCAAGGCGCCGAGACGACGTGGCAACATGATATGTTGCGCGATCCGAGTTC
TGGATTCATTGGGCAAGGTGGGCGAGCTTCTGCTATTCAGACTGGGACTAAGCTTTATATATCTAATTTAGATT
ACGGTGTTTCTAACGAAGATATTAAGGAGCTTTTTTCTGAAGTCGGTGATATGAAACGTCACGGAATCCATTAT
GACAAAAGTGGGAGATCCAAGGGAACAGCGGAAGTAGTTTTCTCACGACGACTAGATGCTGTTGCGGCTGTC
AAGAAGTACAACAACGTTCACTTGATGGAAAACCAATGAAGATAGAGATCGTTGGAATAATATTTCCACGC
CTGCTGTTGGTCTACCGCTGCCGTGAACCCTTTCGAAAATTCAAATGGGGCTCCGAGAAGGCAGCAAGGTAG
GGGTGGTCCGCCATCACGCAACGTGGTCTGTTTGGAAAGGGGGCTGGGCGGGGAAGAGGCCCAAGT
GAAAAGGTTTCTGCTGAAGATCTTGATGCCGACTTGGAAGATATCATGCTGAGTCTATGCAGATAAATTAGT
TGGTTCTTATATAGTGCTTTTGGTTCAACGACCACGATCTGTTCTGTATCACCACCATTGTCTAAACTTGGCA
GAAAAGGGCTATAGTTTTTCCCTAAATTGTTTGAATTTCTTACAGCTTTTGGGCTTCTATTGTTAGATTTTG

ACTTCAGCACGGTAATGTAATTGATGAACAGTAGTCAGTGTGTACTCTGCTTTCATTCATTAAGTCCTTTCTGTT
TCATTTAATGAGTTGGGAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1092 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate
carboxylase/oxygenase, complete cds

GACACTACCATTTACAGTGCAATGCCTCTCAGACTCAACAGCAAGAGCTTCTTCAAACACTCTACTAGCTATT
AGTAAATCCTTCTAACCTCGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGGCATCAAATGGCTTCATCCATTCTCTCATCCGCCG
TGTTGCCTCTGTCAACAGTGCTTCCCCTGCTCAAGCTAGCATGGTGGCACCATTCACTGGCCTCAAATCCGCCG
CTGCTTTCCTCGTCACTCGCAAGAACAACGACATCACCATTGGCTAGCAATGGTGGAAAGAGTTCAGTGCAT
GAAGGTGTGGCCACCATTGGATTGAAGAAGTTCGAGACTCTTCTTACCTTCCTGATATGAGTAACGAGCAA
TTGGGAAAGGAAGTTGACTACCTTCTCAGGAAGGGATGGATTCCCTGCATTGAATTCGACATTCACAGTGGAT
TCGTTTACCGTGAGAACACAGGTCACCAGGATACTACGATGGACGCTACTGGACCATGTGGAAGCTGCCCAT
GTTTGGCTGCACCGATTATCTCAGGTGGTTAATGAGATCGAGGAGGCCAAGAAGGAATACCCGACGCATA
CATCAGGGTTATTGGCTTGGACAACGTCCGTCAAGTGCAGTGCATCAGTTTCATCGCCTACAAGCCCCCAAGAT
TCTACACATCTCCTTAAATTCCATTATGCTGCGGCTTCTTGAGGCGAATTTCAACCATTTGCCTTTTTTAAAGCT
TCATCACTGGGTGGTTTCAACCAATTTCCCTCCTTAAATTTTTTTCTTACTCTTTTTTTCTTATTTTTCCATT
TACGTTTTGGTTGTCTGTTGAATCCCACTATGTTTATTTCCCGACTTCCAATTGGAATTGGAATAAATGATG
CTTTGATTTGTTCTGAATTATCCTATCAATCAATCGCTCCTATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAATTTATCAAACCCCCCAACCCGGGGGGGGCCCCGGACC
CCATTTCCCCTAAAGGGAGTCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCC

>trans_s_1093 AY052326|Arabidopsis thaliana AT4g02580/T10P11_14 mRNA, complete cds

ATCACCGTAGCGAAGCACCGGGCAGCTTCTCCCTCCTTCTCTCTCCTCTTCACTTCGAGCCTGAATCCGAGCT
CCATTCTTAGGCCCTAAAATTCATCTCTCTCTCTCCGAACATGCTAGCTCGCCTGGCTGCCAATCGTCTTGCC
GGAATCCGGCAAAGTGTCCGTCAGACTTCGCGATGCTTCTCAACTGCCTTCAACTATCATGTTGATTCGCCGA
TAACAATCCCGATCTTCTTGGGAATTCTCTGAGACGAACAAAAAAGATTGCAGAGATATTATCCCACTACC
CCTCCAATTATAACAATCTGCTGTCATTCTTTGTTAGATCTTGACAACAGCAACATGGTGGATGGCTTCCTG
TTTCTGCAATGAACGCAGTAGCTAAAGTTGTGGAGTTGCTCCCATCCGTGTATATGAAGTTGCGACATTTTAT
TCAATGTTCAATCGAGCTAAGGTGGGCAAGTACCATTGTTAGTTTGTTGCACTACTCCATGCATGATTCGTG
GCTCTCGGGAAATAGAAGATGCTTTGCTAAACACTTGGGAGTGAAGCGCAATGAAGTAACAAAGGATGGTC
TGTTCTCTGTTGGAGAAATGGAATGCATGGGATGTTGTGTTAACGCTCCAATGATCACAGTTGCCGATTACTCT
AATGGATCTGAAGGATACACATACAATTACTATGAAGATGTCACTCCTAAAAGAGTCGTCGAGATAGTAGAGA
TGTTGAGAAGAGGGGAGAAACCGCCGCATGGCACACAAACCCAGGACGCATTCGGTGCGGACCAGAAGGA
GGAAATACAACCTTGCTAAGCGAACCGAAACCGCCTCCATGCCGGGACCTTGATGCTTGCTGAAAAGCCTCCC
ATTTACTTCCTCCAATAATGCCAATCTGGTGGATTATTATTTATTTTGTCAAAGTTTCATCCACCCCCAAAAA
AAATGTTTCTATTTTACTTCCGGAATGGATTCTGGTGGATTTTCAATAACACACAATGCCTACTTGTTCTGTTG
TCTAAGCTATGCATGCTTTTGTGTTTTTACTTTTGTATAAGCTACGGACGACTTCAGCAATGGCCTCAATATTC
ATCTGTGTTTTTTTTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1094 Z73932|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB1C

ATTTTTCAAATGATTGCCGTGCAGATTTCTAGGCTCTTACAAAACGCAAATACAAATAATTCTTCTCCTTG
TTTATTCCTTCACTTTCTTCAACAATCCGTCTTCTCCGCGAATTCCTCCGCGTTCCGATCGATACTCGCCGG
GCTAAATTACAGTCTCTCCACCACCGTTAGGAATTCTTCTGACTCCATCCATATCCACCGCTTATCCGCCATG

ACGCCTGAATATGATTATTTGTTTAAGCTCCTGCTTATTGGAGATTCTGGTGTGGAAAATCATGTCTCCTTCTG
AGGTTTGCAGATGATTCTGATTTGGATAGCTACATTAGCACCATCGGGGTTGACTTTAAAATCCGCACCGTGG
AGCTGGATGGAAAGACTATAAAGCTCCAAATATGGGATACTGCTGGCCAAGAACGTTTGAACAATAACCA
GCAGCTACTACCGTGGTGCTCATGGCATTATTGTTGTTTATGATGTACAGACCAAGACAGTTTCAATAATGTT
AAACAGTGGTTAAATGAAATTGATCGTTATGCAAGTGAAAACGTGAACAACTTCTTGTGGGTAACAAGTCTG
ACCTGACAGCAAACAAAGTCGTGTCCTATGAAACCGCAAAGGCGTTTGC GGATGAAATTGGAATCCCTTTAT
GGAAACAAGTGCTAAAAGTGCCACGAACGTTGAACAAGCTTTTATGGCCATGGCTGCTGAAATCAAGAATAG
GATGGCAACTCAACCGATGAACAATGCGCGGCCGCAACTGTTCAAATTCGAGGACAGCCTGTGAACCAAAA
GTCTGGTTGCTGCTCATCTTGAAGAAAAATAGGAGATGGAGATATCTCTATGATGATTGGGTTCTTCACATGT
AAAACCTCTTTCTTATAAAAAGCTTCGTTTTGTTTTTGGTGTCTTCTCTCCATCATTTACTTTGTTGGTCGGTCA
GCACTTTGTTTAAAATTTCCCATCTTTTCAATGTATTTGATTCTCATAACATAAGCTGAAACAAACAAAAACA
AAAAACAAAAACAAAAAACTAAACCATCTGTACAAATTAGAAAATATTATTGGTGAATAGCACTATCCACTATT
TGCTCTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1095 EU363226|Solanum lycopersicum Huafan No. 1 genomic sequence

AAGAAATGCTAGTAGAACCGCAGATTCTCAACATAGAGAAAATGGGTGGTTTCCATGTTTACAAGCGAAGCTT
TTTGAGGACACGATGATTGAAGTAACAACCGATGAGCTTGCCAGTCGATTCCAGCTGCCAGCTATCTCTGAT
GATATATGACACGGATGATGATCTTGTAAACATATGCTTCCGTATTGTGCAAATAAAAGTAGGTAAAATAGCTG
CTTTTCATGCACTAAATCCAGAAATTCTTCCCTCTTCTTATTGTGTTTAACAAATTGATGATAAGTTTAT
CATAGTTGTTTCACTGAACCTTGAAGCAGTGAAGGGATTTTATTGTTTTAGCCAAAGATAGCTAGATTGCTCTT
TCTTGGCTTTTGCACTCCATGTAAGGCATCTAAGACTCAAAGTCTGACTCATTGTAAACAGTCATATTTGTT
TATCATTACAATATACAAGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAGCCCCCCCCGCCCCCAAAAAATTTATCAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCCGGAACCC
AATTCCCCCAAAAAGGAGTCAAAAAACCCCCCCCCACGGGCCCCCTTTTAAAACCCCGGACGGGAAAAACC
CTGGGGTTACCCAATTAAATCCCCTTGAAAAAATCCCCTTTCCCCAGCTGGGGAAAAAACAAAAAGCCCC
CACCAATCCCCCTTCCCAAATTTGCCACCCCTAAAGGGGAAAGGGAACCCCCCTGAAACGGCCCCATAAAAC
CCGGGGGGGGGGGGGGTTACCCCCAGCGGGACCCCTAAATTTGCCAGCCCCCAACCCCCCTCTTTTTTTT
TTTTCCCTTCTTTTTTCCCCACGTTCCCCGGTTTTCCCGTAAAGCTTAAATCGGGGGCCCCCTTAGGGTTCCA
ATTTAGGGTTTTACGGCCCCCCCCACCCCAAAAACTTGATAAGGGGGATGGTTCACGTAGGGGGCCATCCCC
TGAAAAACGGTTTTTCCCCCTTGACGTTGGAGTCCACGTTCTTTAAAAGGGA

>trans_s_1096 HM480168|Nicotiana benthamiana plastid NEP interaction protein mRNA, complete
cds; nuclear gene for plastid product

AATCTGGAGAAATCCTTCTGCAAATTGCTTCAATTTGTTGTGGACCAATTAATTACCCTGAACCACACGACGTT
GAATCGAAAGATTTGTCTTAAGAAATGAGACGAACCCCAACAAACCCTTTTTGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT
TCCTTTTACCTTTTCTTCTCTCCGTCATTTCAACCAATCCCCCATTTGATTTACTTTCCCTAAACCTTTTTA
ATTTGTAGCGACAACAAAAAAACTCTTCCAAACATAGCCTTAAATGCGAGTTGGTTGATCCCTTCTTCTTCT
TCTTAAGCGCTAAGTTTTCCCTTTCTTTGAAAACCATTTTAGATTCTCCATTTTGACCAACCCTTTTCATTC
CATGGATTTTCATAGCGAACCCATTCGCTTTTCTTCATCTTCTCCCTTCTTTGGGAATCTCTTTGAGAGAGTT
AGAGAAATTTGTTGCTATGCGTTTTCTGCGATTCTTGCAATATCTTGTCTGCGATCTTCATTTCTTCTCGCC
CTAGTTGGGACTTTGCCTGGAGCCAGGACCGGAGCATTGATTGGCCAAGAACTGAAAGTGGGTTTGTTAGA
GGAGCTGCTGTTGGGGCAATTTCTGGAGCTGTTTTCTCTATTGAAGTCTTTGAATCTTCTTTGGTTCTTCGGCAA
TCAGACGAATCGGGGATTGGGTGTCTTTATCTGATTGATGTCATTGCAAGCCTCCTCAGCGGTCGTCTAGT

TCGGGAGCGCATCGGTCCGGCCATATTGAGTGCAGTTCAAAGTCAGATGGGTGCTACAGAGACAAGCTTCGA
CGACATCCCAAACATCTTCGACACCAGCAGTGCAAAAGGATTGCCTGGGGATTAGTCGAGAAAATCCCCAAG
ATCGTAGTATCTAAGAACAATAGTGTAGATGCTTATGGCGAAAAGAGTCTGTTGTTCTGTTTGCCTTCAGGACTT
TCAGCTTGGAGAGACTGTAAGAAGCTTACCATATTGCCATCACATGTTCCATTTGCCTTGCATTGATAAATGGC
TTCTTACCCATGGCTCTTGCCCTTTATGCAGAAGAGATCTGTAATATTTTTCCACTCACCCTGTCTTAACCTTGC
CTGTAANTAAAAGAAAATTCCTTATTTT

>trans_s_1097 NM_101297|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT1G14310) mRNA, complete cds

TAGACGGCGTTGGAGAAACCAAAGGCAGCGGAAACTGCAAGCGACCAGCCACAGTGAGGGAATTTTCTTCAC
CATCTTTTATGCTAAACCGCTGTGGGGTGCCACTGGATTGATGGAATTGAGCATTCTTAGGTGCTCGCACGGC
AGGAGTCTCTTTAGAGTCTTCAAGCCCTCCCTCTTCTCTGAAAACGAGTATTTCCAATCCCCACCACATGCCA
ATACAAAACGTTGGTGGAGGCTCATCTAATAGAGCTTATGATGCATTGCTTTTGGATGCTGGAGGAACACTAC
TGCAGTTGGCAAAGCCAGTTGAAGAGACTTACGCATCCATTGGCTCCAAATATGGTCTAAATAGCACTCCTGC
TGAGATAAAGCAAGGATTACAGGAGAGCATTTTCTGGTCCGTGGCCTCAAAAGCTACGTTACAAGGGAGATGG
AAGGCCATTTTGGAACTCGTCGTTTCAGAAGCCACTGGCTGTTCTGATGATAGTTACTTTGAAGAAGTTTATC
AGTACTATGCAAATGGTGAAGCATGGCATCTTCAGATGGAGCTTATGCAACCCTGGGTGTTTTGAAAGATGC
TGGAGTTAGGTTGGCTGTTGTGTCCAATTTGACACTCGGTTAAGGAAGCTGTTGAAGGATCTAAGTGCTTA
GATATGTTTCGATGCTGTTATAATATCGGCAGAAGTTGGATATGAAAAGCCAGATGGAAAAATATTTGAAGCTG
CGTTAGATCAACTTGAAGTGAGGTCTGACAACGCTGTGCATGTTGGAGATGACCAGAAGGCAGATAAGGAG
GGAGCCAATGCCGTTGGAATAGATTGTTGGCTATGGGGAAGCGATGTGATGACGTTTGAGGACATTCAAAAT
CAAATTCTCGTTTCGAGCCTCCGGATTCTAAGCAGCTGATATTGTACTTCACTTCTTCTATGGGACAGATATGA
ATCTGTATTGGGTTCTCAACTCTCTCCTCCATATTGGGGTCTTTGTTGTTTCATTGATTGCGAAACTCTGATGGT
TGCCTCACATTTTTTGAATAATTTATGTTAGGAGTTATTGATGGTGCGCACGCTCCTTATAAGATGAATAAAC
AATTTCTATAAGATTTTGAAGATGAACTCTATTTAAGCAGGATTTTCTGCACAA

>trans_s_1098 NM_202221|Arabidopsis thaliana ATNSI (NUCLEAR SHUTTLE INTERACTING); N-
acetyltransferase (ATNSI) mRNA, complete cds

ACCTTATTGAGTGATATTTCAACCATTGGTTAGCGGCTGGCTGAAGAAGATGGGCCAGGACTATACTATGGGG
AACTGAATCTTCATCTTCAATTACAACAAATCGTCTCTGCTCCGGCCATTTCTCCCTAGCTCCGATTCTATTCCA
GTTCTCAAAAGTATTCTCCCCACCGGCCCTTAATCCCGCTCCACTCATCCTCATCCAGCGATGATGTCTCACAAAC
TCTTCGCCGCCTCTTCTCCATGCCAAGTTGTTTTGTTGGATTGTAAGTCTAATGGGTGCAAGTCGTTGTTGGTTT
CTCGGAATCTGATGAATTACGGGCTCACTAGAGTAAGCAAAAGGCTGAAGGTATGTCGACTCAGGGCTGGCT
TCTGGGACTCCATCAAATCCGGGTTCTTGAATAATAATAATACCCAAGTGGTTGAACCTCCTTCCACGCTTCAG
GAAGAGGAAGAACCCTTGCCTGAAGAGTTTGTCTAACTGAGACAACATTACCAGATGGAAATATTGAACAA
ATAATATTCACCTCAGGTGGAGATGTCGACATATATGATCTTCAAGCCCTTTGTGATAAGGTAGGTTGGCCAC
GTAGACCACTGCCAAAGTTAGCTGCAGCCCTTAGAAACAGTTATATGGTAGCTGCACTGCATTCAACACTTAA
ATCCCCTGTTTCAGAGGAGAATACACAAAAGAAGTTAATTGGTATGGCTCGTGCAACATCAGATCATGCGTTC
AACGCCACAATTTGGGATGTTCTTGTGGATCCTTCTTATCAGGGTCAAGGCCTTGGCAGGGCCCTAATTGAAA
AGCTTATAAGGGCACTTTTGCAAAGGGATATTGGCAACATAACACTCTTTGCAGATAGTCAAGTGGTAGAGTT
TTACCGGAATCTAGGTTTCGAACCTGACCCTGAAGGAATTAAGGCATGTTCTGGTACCCAAGACATTAGAAT
CTTTGCTTGGACAAAGGTCATATTTCTTCTCCATATGTTTTGTTGTATAAAGTAGGATCTTGGATTGGAAATAG
AAGACAAATGAGTTTTATTTATATGATTATCATGGAAGTCTGTATATACACTTCATATTATTTATGAATAATATC
CTATTTATTGACTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1099 NM_121632|Arabidopsis thaliana SYN4 (SISTER CHROMATID COHESION 1 PROTEIN 4) (SYN4) mRNA, complete cds

AAAAATCTGATCACAATGTTTCCCTTGTAACCTCACCTCGAGAAAATGGTGAATCCAATTATCTGACACCCGAA
AATTGTGACAAACCTGTTAAGTTAGGGGAAATTGATGTGGATGGAGTAAATACGACAGACTTTGTTTGTGATG
AAAAGGATGCGGCTTCTCTTTGTTAATTGATGGAGCTCAGGTGGATTCTCACTTTTCATCGGGATTGATATG
GATTTTAAAAGTACCTCCTTCAATGAAGTTGTAAATCCGGAGTATCCTGAAGAAGTTGATTTGCTCAATATTGT
GGACACAGAATTGAATATTCTTGACCATCCTATGGAAGACCGTGGTGACTTCGAGGATGCTACAGTGGCGAAT
GATATAGAATTTTTGAATGAAGATGATGACGATGAAGAAGACGAGGACAACATGCAATTTGGTGGAGATCCT
AGCTTTCTTGAAAACAGTGGATGGTCTTCCCGCACCAGGGCTGTTGCCAGATATCTTCAAAATCTCTTGATAG
GGACACTGTACATGGGAGAAAGGTTCTTCACATGGATAGTTTACTCGTTAACAAAACCTCGGAAGGAAGCATC
AAGAATGTTTTTTTGAGACATTGGTTCTCAAGACAAAGGATTACCTCCATGTAGAACAGGAAAGACCCTTTGA
CAACATTAGTATAAAGCCAAGAATAAACCTCATGAAGTCAAGTTTCTGATTTACTTTAGGAAAAGGCAGAGAT
ACACAGCTGGGAAAAAAACCAAAAAACAGAAAACCAAAAAACAAAAGGCTCCGGTAGATGTTAGTTCGGCC
GATGCTCCACTCGGGATGTCAATAGCTTTTTTCATCATCAGAACTCCCTTCCCAACAAAATAATCTTTGTAT
TTCTTTCTTCTTTCTTTTATTATTATTTATATATTGCTTTGTTAAGATAGACGTTTACTTAAGTGCTCAGTGA
GTCTAACAGTGAGGTCAGGTTGGGTCGAGTCGAGTCAAGTGGGCACATCGTATATTAATGTGTTTATTGTACC
CAACTTTTGTACTATGACAGATACTCTCATGTATATATTATCTGTAAAAATAGTCTCTTGCTATTGAAGATGCTG
ATTTATTTGTTAGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1100 XM_002878181|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata
endonuclease/exonuclease/phosphatase family protein, mRNA

AATCGATGGTTGTGCAACATTTTTCCGTAGAGACAGATTTGCACATGTCAAGAAATATGAGGTTGAGTTTAAT
AAGGCTGCCCAGTCGTTGACTGATGCTCAAATCCCACTGCACAAAAGAAGAGTACTTTAACCCGATTAGCTA
AGGACAATGTTGACTAATAGTGGTTCTTGAAGCAAAATTTGGTAATCAGGGAGCTGATAATCTGGGGAAAA
GGCAGCTTCTCTGTGTGGCCAATACTCATGTTAATGACCATCAGGATTTAAAGATGTAAAGCTGTGGCAGGT
ATCTACTCTTCTGAAAGGACTGGAGAAAATAGCTGTTAGTGCTGACATTCCAATGTTGGTTTGTGGTGATTCA
ATTCTGTTCTGGAAGTGCTCCTCATTCACTTCTTGCAATGGGGAAGGTAGAGCCATCACATCCAGATCTGGCC
ATCGATCCTCTCAATTTATTTGCCCCACCTAGCAAGTTGATCCATAAGCTCCAAGTGGTTAGTGCTTATTCATCC
TTTGCAAGAATGGGTGCTAGTATTGGGTCAGAGAAGCAAGGAAGAGACTTGACCCAACAACAAATGAGCCC
TTGTTTACAAATTGTACAAGAGATTTCAATTGGCACCTAGACTACATATTTTATACCGTGGACTCCTTAACAGGT
GAGTCTTTAATAGAGCTTCTGGATGAGGAAAGCATGAGAAAAACACAGCACTTCCTTCCCCAGAGTGGTCTT
CTGATCATGTGGCCCTACTTGCTCAGTTCTGCTGCAAGCCTCGAATTAGACGCTGATACTTTGATGCAGATCTG
GAGATACTCGAGGCAGATGCAATGAAATGGTGTTGGAAACAGATTAAGTTCTGGAAGGGAAGGATAAGATT
GGTCATCATACTGTGTTTCCAAGTAATTCTTTAAAAACAGGAACCATGCTCTGACCTGATCTACTCCCTCCTGTA
TTTTTATTTATTTCAATTGGAAGAAAATGTGGCGCCCCCTCCCCCATGTGAATTGGCTCGATATGAAAAA
TCAAAAGCCATCCTTCTCTCTCTTTTATGTGTATTCATCTTTGCTCCCAAAAATGACAATCTTTCAATTTATAT
AGAATTTTTTTGCCCTTGCAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1101 XM_001697412|Chlamydomonas reinhardtii ubiquinone biosynthesis protein
(COQ4) mRNA, partial cds

TAAAAAAAAGAAAGAATGAAAACCCTAAAAATAACCTCAGTCGTTGTTTCCTAATTCCTATAAGATCCCAATTT
TCGCCAAAGAACCCTACGGCACCCAAATTAGGGTTTCAGAAGTTCAAGAACATTCCTCCTCCAACCTTCATGAT
GAACGATGCTCTCATTTCTCCTACCGTTCTTTAGTTCTTAATCTTTATTCATAGTTCAATTGTTTGTATCTTTTTA
ATTCATGATTTTGAGTTATTACAGTGATCTGTAGACGTTAATTCCTCGTCTTTGGTTTGCTCTGATGTTGCTGA

TTCGTCAATTACAGTTGTTGTAAAGCTTGATTCCGTGAGTTTTTCAAATGCTCATTGGATTGATTGGGTAAATC
GATCAGATTGGTTATTTGTCCGTCTGTTTGATGGAGTAGTGATTTATTTTCATTGATTGAATATTCTGTGATAT
ATTTTGCTTCAATGGTTGTTCTTTTCTTGTTAGCAAGAGGGTTTGAGATTAATAATGGAGTATTATAGAAGGATT
GTTCCCTTATACTGATTCATTTTTGTTTCAATATTTGTCATCTTTACAGCAGGTTGGTTATCTTGATCAACTCTG
TGTCTGAGGATGACGAAATGAAGTTCCTCCATACCATTATTCTTTGTGAAACTGTTTTGACTTTGTAACACAAG
GAGGATACAAATTTCTTCATCCTTGCTGACTTTTTACTACATCAAGTGTACAGGTGATTGATAACAAACATGG
TTATCTTTCTCATTGATTAGATCGATCATTCTTTTTCAACGACGAGGCAATATTTTTCTGTCATCTATAAAGC
AAATAGGATATTTCTATACCAAATTTGTGTCGGAAGATGACGATATGAATTAGGCAATCCTCTATTCATTTTGA
AGACCTGAAAATCCCTCCATTTTTTCAAGTAAAGGTTGTCGACACATCTCAGATGTCTCTGTTTGAAAATTTGA
TTATTGCTACTTTGAGTTTTTTTCTTTTTTGAATGAGTGAATAATCACGTTTTGACTAGTTGATATGTTCCAGT
CATCCATAAAGCAAATAGGGTGTTTTGTATACCAATTTTTGTGTCGGAAGATGACAACATCCACTGTGATGCTT
CTACATTTTGAAGGTTGTACCTCTTT

>trans_s_1102 NM_101148|Arabidopsis thaliana UGE1 (UDP-D-glucose/UDP-D-galactose 4-
epimerase 1); UDP-glucose 4-epimerase/ protein dimerization (UGE1) mRNA, complete cds

TGATTCAGTACAGAGTTAGATTGTCATCATTTCTCTTAAATGGGGAGCTTAGAACGGACGATTCTCGTCACTG
GTGGGGCTGGATTCATCGGCACCCACACTGTTGTTGAGCTTCTTAAAGAAGGGTTTAGCGTTTCATTCTCGAC
AATCTTGATAATTCGGTCTTGAAGCCGTTGATCGGGTTAGGGAATTGGTCGGCCCCGAACTTTCGCAGAAAC
TTGAGTTTAATTTGGGAGACCTGAGAAAGAAGGAGGACATAGAGAAATTTGTTTTCCAGGACGAGATTTGATG
CTGTTATTCATTTTGCTGGTCTTAAAGCTGTTGGGGAGAGTGTTGCTTTCCACGTAGATATTTGATAATAATC
TTGTTGGAACCATCAATCTCTATGAGGTTATGGCAAATATGATTGCAAGAAGATGGTTTTCTCGTCATCTGCG
ACTGTTTATGGTCAGCCTGAGAAAATCCGTGTGTTGAAAATTTTGAATTAGTGGCATTGAATCCTTATGGTCG
GACGAAGCTTTTCTTGAAGAGATTGCTCGAGACATTCAAAAAGCAGAGCCCCGTTGGGGAATCATCTTGTTG
AGATACTTCAACCTGTTGGGGCTCATGAGAGTGGTACAATTGGTGAAGACCCAAAGGGTATTCCTAACAACC
TAATGCCTTACATTCAGCAAGTCGCAGTCGGTAGACTACCGGAGCTCAATGTATATGGTCATGACTATCCAAC
AAAAGACGGCAGCGCTGTCCGAGACTATATCCATGTTATGGACTTAGCCGATGGACACATTGCTGCTCTTCGA
AACTTTTTACGAATGAAGATATAGGGTGCCTGCTTACAATTTGGGGACTGGACAGGGGCACATCCGTGCTAG
AAATGGTTGCAGCATTTGAGAAGGCCTCGGGCAAGAAAATCCCTATAAACTATGCCGAAGGAGGCCTGGTG
ATGCAACAGCAGTGTATGCATCGACAGAGAAAGCCAAGAAAGAACTCGGCTGGACGGCAAAATATGGCGTA
GAGGAAATGTGTAGGGACCAATGGAAGTGGGCAAGCAGCAATCCATGGGGATACCAAAGAAACCTTAAAA
AGTACATAATCCTTTCATACCTATGCGCAAGTACTCAATAAGAAACCTTACCAGA

>trans_s_1103 NM_101055|Arabidopsis thaliana ATGLX1 (GLYOXALASE I HOMOLOG);
lactoylglutathione lyase/ metal ion binding (ATGLX1) mRNA, complete cds

AGATAAGCACCACAACAATCATCTTTCAGCTCCTTGAGTTTGATTACCTTCATTCTCGTGTTGGGTTGTTGGCA
AGTTTTGATTTTTGCTGACCGAGGAAATTGGATCATGCAACATGGTTCTTGACAGCGTCTTTCTTCTCCTCACA
GGAGGTCCCCGTCATTCCGAAAGTCCTTCCGAATGAGTTGGGCAGTTGGTCGACTCTCATGCAACGACATCG
CTTCTCCTGACAGCACTTGTCTCTTGACTTTTTCTTGCACAATTTACCTTTACTTTGCTGTCACCTTAGGCTCTT
CCTCCTCTTGCTTTGGACTAACTGGGACTCAAAAAGCTCAGTGTCAACTGGAGCTTGCAAAGACTTCCATCGCT
AAAGGGAAATTGAAAATTTTGTACTTTGGATTTGATCCAAAGCTCGTGTCTTTTGCTGTGGTTCTTAAA
AATTTGGGTTGAATGCTTAAAAGAAATGAAATTAGTTAATCTGTGATACAAGGTTGTGTAGTAAGATGTAAGC
GAACTCTCTATACAAAATGTCCGAGAAGGCCTTGGGAATGAGGCTATTAAAGAAGGTTGATAGGCCAGAATA
CAAGTATACCCTAGCCATGATGGGATATGCAGATGAACTAGAGACAACAGTGCTAGAGTTGACTTATAATTAT
GGTGTGACAGAGTATACCAAGGGAAATGCATATGCTCAGGTTGCCATCGGTACTGATGATGTATACAAGAGT

GCTGAGGTTGTCAACCAGGTAAACCAGGAACCTGGAGGAAAGATTACTCGACAACCAGGACCACTTCCTGGA
ATCGGCACAAAAATTGTTGGCTTTCTGGATCCTGATGGTTGGAAGACTGTTCTTGTTGATAATGCAGACTTCCT
AAAGGAACTGGAACATCAGTGAGCTTAGTCTTGTTAAATAATCAAGTGATGAAATAAACCATCCTGCTTGAG
TTTGTAACCTACCTGTCATGTCTTTGAATAAATGTAGAGCCTGATGATGGCTCATATCTTTGACATTTCCAAGTG
GTCAGTATGGCATGTATTACATTTTATAAGCAAAAAGAGAAAACTGCGAACTCACTTTGTAGTTTTATATTAC
TATTACCTTCCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1104 XM_002869539|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH:ubiquinone oxidoreductase
family protein, mRNA

CACTATCTTAAGACAGGTCTATAATAGGGAGAGGATAATTTTTCTGGAGTGGAAGAGGAGAAGAAATTTTGG
GATATGAAGGCTCTGTAATACCCGTTCAAACGGTGGTTGAAACGAAGATAATGTCGAAACTTTTTGGGAAAAAT
TGCCGGTTTCTTCAGCAATAGAACTCTGGTGGGAGTGACAAAGCGGGAAACAGGTACTTCTTCGTAAAAGA
AGAAATCGATGGTATAATGAAAGAGAAGAGATGGGTGGTATTTAAGGGTGAGGATGATCCAACGTCAATTCC
AGTGGAATGGATATGTTGGTTAAATGGGCAGCGTAAAAAGGCTCCAACCCAGAGGAAATGATGGAAGTAG
AAGCTAGGCGTGAACGTGTACGACAAAATGTTGCTCTTCTCAAGAAAGAAGAGATGGAAAGAACTCTAAAG
AAGGCAAATTACGGAAAATCATCAGCACTGGTCAAGTTATGGGTCTGACTTGAAAAGCTTTATCCGACAGGT
CCCAACTGGTTCAGAAAGTGCCCAAGATGTGGAAGGATTGCCTACAAGAGATACCCTGAGGAACTCAAACGA
AAAGGAGCCAGTTCAAGAGAAACCAATTCGGAGTCTCCGAGCCTGTTGGGTCTGGCCATACATTTAGACCC
GGAACATGGCAGCCACCAACATGAATGATGATTGCCCATCAAGGAGAACTCGCCAACACTAAAGCTAGCAGT
TTGTTCTATGTCCAACAATTCAGTAAGCTTCTGAGTTCCGATTACTTACCTCCAAATTTTCTGAGGACATGCCC
TTCTACTTGACTGTATCAGATCCTGCCCTACAAAAGTCTCAAACAAGATTGCACTCTGCATTGCCTTGTTATT
TGTCTGATGAAAAGCAGTTATAACTTAAATTTTATATAGTAAGTTTAATAAGCATCCTTATAGAATACTTGTGA
CAGTTTTGACCTCCCCATTCTATCTAGAGGCTGAGAAAAGTAACTAGCAATTGTCCGTAGTGGCATTGCCTTG
GAAAATCACTGTGGGATTGATATTATCCTGTTGGTTATGATTTGATTTGTAAACCTTTTATCCCATATTATT
GGAACTCGTTGTAATGTTTTCAGGCTCATCTTGAGGGATAAATATCATGATGCAT

>trans_s_1105 DQ158860|Poncirus trifoliata RING-H2 finger protein mRNA, complete cds

AGCTCAAGAACTTTACAGGAAGAAGAAGGCTGCCCCTGTCTCTGTATAAAACCATCAACAACACAACCTCT
CTTTGTTTGTCTATTAACAAAAACATACAAAAAGGGAAATGAAGATCAACTTCTCACCGATTCTGTGAATCTCGA
TCATTTCTTACATCTAGTCTTCTCCTAATCTCTTTTTCTCATCCCTTTGAAGCCATCTCTTTCTGATTTTGATCA
GATATCAACGAAAGGTTCTGACTGCAGAACCGTTTGAACCTCAGAAGTCAGAAGTGTGACTTCTTTCACATTTCC
AGTTTTTCATATTTCAAACGCTTATTTGTACCTAAAATTCTGGTAACAATGGGACTCTCCAGCCTTCCTGCCCC
TTCTGAAGGAGTACTAGGTGTGATCCTTGTAATACAGCCTTATCCATTTCTATCTTCAAAGGCATAGTTCCGT
CAATCCTCCATGTTGTTGGCATCCATCTCTCCTCGTCTCAGCTACATTACCTTCGTCACCAGATTCTATGGAGA
ATGCTCCCGAGTCCATAGAGTTTCATCTTAACCCCAATGGAAGTTACATTGAAGAGTTCCGCAGCCGAATCCCG
GCAATTCTTTTCGACAAAGTTTGAAGCTGTAATGGCTTGAACACGATTGCTCAGTTTGCTTAACCCAATTTGA
ACCTGAATCAGAGATAAATCATTTATCTTGTTGGCCATCTTTCCATAGCGTGTGCTTGGAGAAGTGGTTGGACT
ACTGGAACCTTACATGCCCCTGTGTGCAACTCCGTTAATGCCAGAAGAAGACACAGCTTCTGCTTTTGGTGA
GAGGATTATTAATACGATGGTTGAGGAACTTCTTACCATTGTACAGCAGCATAGTGTAGATAAACTTAAAAAG
TGCATCCGCAGGCCATAGCATTGTACCTTTCATATGCATGAGGAGTTGGAAGCGTGATGAGTGGTGGTTGG
GTCTCGGACCCTAGTTATTTTATTGTAAATATCAAGCTTCTGCTTTTTGATCTTTTTCTTTTGGTGTATATGC
AGTCTTGAGACTGGCTTTTACATTTCAAGTTAATGCAGCTACTTCCCTTTATCATCTTCTCATCGAAATTACATT
GCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1106 NM_123948|Arabidopsis thaliana MEE62 (maternal effect embryo arrest 62); ATP binding / protein binding / protein kinase/ protein serine/threonine kinase/ pro> (MEE62) mRNA, complete cds

TCGGTAAAGAGTCCCTTCTTGCAGAGGGAAGGTGCGGGCCCGTTTACAGAGCTGTTCTTCCCGGAGATATCCA
CGTGGCGATTAAGGTCCTTGAATCCGCTAGAACCGTTGCTCGTGATGAAGCTGTAGCCATGTTTCGAGGACCTT
TCCGCACTGAAGCATTCCAATTTGTTACCGCTTTTTGGTTACTGCATTGCAGGTAAAGAGAAATTAGTATTGTA
CGAATTCATGTCCAACGGTGATCTCCACCGGTGGCTTCACGAGCTTCGACCGGCGAACCACGTCGAGGAT
TGGAGCACCGACACATGGGAAATCAACAACAATACCGTTAATGGGTCCCATTTTTCTGTACCGGAGAAGTTAG
GATGGGCAACGCGCCACCGCATTGCATTGGGGATAGCGCGTGGATTGGCGTATCTTACCACGCCGGATCGA
AACCGATTGTTTCATGGGCATTTGGTGACGTCAAACATTTTACTGGCGGATGATTCGAGGCTCGAATCGGGGG
ATTTGGATTACGACATGTCGGGGGGGAAGAACGGCGAAGATGGGGTGGAGAAAGATGGGTATTGTTTTGGTG
TGGTGTGATGGAGCTTTTAACGGGGATGCCCGCAGTGCCAACACGGTGGTGGGAGTGAGAAAAATGGTT
AGGGATGGAAAAGCTTTAGAGGTCATTGACCAGAGATTGCGACTCGGCGGCGCTGAATCGGAGATGGTGGG
GAGCCTCCGTGCGGCGTATCTATGAACGGCGGAGACGGCGGTGAAAAGACCGACAATGCAACAAGTCCTAG
GGCTGCTCAAGGACATTCATCCACACACACCCAAACCGAAGTCTGTGAAGTGACTCATTTACCCCTCTAGTC
TCCTCGAAATATTACGGATCGTGCCACTAGTGACCGAAAAGGCGATAATGCCATCGAGGAAAAGTACGTTTCG
GAATTGGCGATGATATTCCTCACTTTTCTTTTGGCAAATGGCAAAAACTAAACCTCAAACCTTTTCATTGTAAAA
TTGAACACTCCCATTACATTAGTTGAACACATTGGAGTTCAATCTTAATATTCAAACCAAACTACTTAGCCCA
TCTTGGGCATCAATCAATTTTCCACAAAAA

>trans_s_1107 NM_180043|Arabidopsis thaliana LSH10 (LIGHT SENSITIVE HYPOCOTYLS 10) (LSH10) mRNA, complete cds

ACGTTTTTAATAAAACAAAATAAAATTGGGGTTGTCGTTTCGATTTTATTTGGTTGCCAAATCTGCCCCAAAATT
CCCTCCTTCCATAATCATGTTAGGCGAGAGAGCAATTTGTGAAGGGTCGTCTGATTGGCCATCACAGCC
GATCAGCGGCATCAGCAGCAGCAGCAACAACAGGCAGCAGGGCAGGCACAGCCGGGTGCGGTTGT
TCCGTTGAGCCGTTACGAATCACAAAAGCGGCGAGATTGGAACACTTTTGGGCAATATCTAAAAACCAAACA
CCCCAGTATCGCTATCCCACTGTAAGTGAACCATGTAAGTGAATTTCTTCGATACCTTGACCAATTTGGTAAA
ACAAGAGTTCATTACATGGTTGTGTGTTTTTCGGGCAACCTGACCCTCCTGCCCCCTGCCCTTGCCCTTGAA
CAAGCTTGGGGCAGCCTTGACGCACTCATCGCCGCCTCCGTGCCGCCTACGAGGAGCATGGTGGCTCCCT
GAAGGAAACCTTTTGGAAATGGAGCAATTAGAACGTATTTAAGGGATGTGAAGGAGAGCCAAGCGAAGGC
CAGAGGAATTCCTTACAAAAGAAGAAGAAGAAGAGAAATAATCAGACGATGATGATGAATAATATGAACA
AGCAGCAGCTGCAGCAACTCCCCAATAATAATGATACCAACGCTCCTTTGACTCACATCCCTTGATTTTCA
ATCCATCTCCATGGAATTGAAGAAAGGAAGATGTGGATTTAATGGATTGATGGAAGGGGAAGAGAGATGGA
GAATATTGGAGCAATTGAAGGGAAAAAATGTGGAATATTGCTTATACGGTGTGGGAGTTGTGCAGAGGATT
TAATTCATATGGGTAGCCTTAGCTATAATTCTGGTTATGAATAATCTATAATATTGAGGCAGCATAATTATAATT
AGATGGCCCTTATTAAATTCTATATACATATATCTATATATTTGTAGCAATGTCATACAATCTTAGGCACCTTT
GTTCTATTAGGGTAAAAACAAACAATTTCTATTGTCTTTTACTGATTTAATTAATTTCAATTTAGAAGAGGGG
AAAGAACATCATGATTTTAGCAAAAAA

>trans_s_1108 XM_002873207|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NC domain-containing protein, mRNA

TAAGTTTTGTCTCTATCTCTTTCCGTTACGCTTCTCTGACTTCAGCCATTTCCCATTCATTGATTTTAGGTA
TCATTAAATCGTCGCCATTCCATTGCATCCGCTGGCAATTGAGAAGAGGGCAATCAAAGAGAAACGGATATG
GGGCTTCTTCCAACAGAGTTAATCGGGAGAGCTTGAAACCGGGTGATCATATCTACTCTGGAGGGCCGCTT

ATATTTATGCCCATCATGGTATCTATGTTGGAGATGGAAGAGTTATTCACCTCACCAGAAGAGGTCAAGAAGT
AGGAACCGGGACCGTGCTTGATGTCTTTCTGGCAAGTTCAGGACCTGCTCGATCCTTTGTGCCATGCCCTACTT
GCATTCCTCTCGAAGAAGGGAATGGGGTTGTTTCTTCATGCTTGAAGTGTTCCTTGCTGGTGGAGTGTGTAT
CGTTTCGAGTATGGTGTCAATCCTGCTCTTTTCTGGCCAAAGCTCGAGGTGGAACCTTGCAACCTC
TGATTGAGATGATCTTGTTGGTCCATCGAGCAAATACCTACTAGAGAATGGCTTTGGATGCTACAATGTATTCA
AGAACAAGTGAAGACTTTGCAATATACTGCAAACTGGACTACTTGTGGTTGATCAGAGCACTATGGGACA
AAGTGGGCAAGCAGTTTCAATCATTGGAGGACCTCTGGCAGCGGTTCTTCAACACCACTGCGTCTTGACACA
ACCAACGTCTATGGAATGGCAGTGACAGCCGTTGGTGTGTACTGTGCTAGTAGATATGCTGCTGATATTGGGA
TGAGAAAGGATGTGATGAAGATACCTGTGGAGGATTTGACACAAAGGCTGGCCACCGGCCTTCTCCAGGTGG
TAGAACCGCAGATTTTACCCGCAATGGCACCGGAGTCTCACCTGCTTATTGGCAGATAATTTAAACTAACATA
TATTTTTAAAGGAACTGGTGTGATGAAGATACCTGTTGTTGTTGTCTAGTTTTAAACAGGAAGAACTGTTG
TGAAATGTAAGTCTTGCAAAACAAATATTTGTGGCATTGAAAGTTATTTAAGAGGTCTATAATTTATTAGGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1109 AB506697|Lotus japonicus Sec13-like 1 mRNA for SEC13 family protein, complete
cds

ATTGAAGACTAACACGAACTTGGAAGTCAATTTCTGTACCTTCTTCATCTTCCATCCTTCGCATCGCTCCTTTAAA
ACCCCATCTAATCGGCTCTACATTCTCGAGAGATCAACGAGGAAAAATCGTGTACCGATTTTAGTTCCTATTAC
TCATTTGTGGAATTAGTTGTGAGAGAAGATGCCTGGTCAAAAGATTGAACTGGTCATCAAGACACTATCCAT
GATGTTGCGATGGATTATTACGGTAAGCGTGTTGCATCAGCTTCATCTGACCAAACCATCAAGATCACTGGTG
TAAGCAACTCAGCCACTCAGCATCTTGCAACGCTTACCGGTACCAAGGACCTGTATGGCAGGTTGCTGGGC
ACACCCAAAATTTGGCCCCTTGCTTGCTTCATGTTCTTATGATGGTCGGGTCATAATATGGAAGGAAGGCAATC
AAAATGAGTGGTCACAAGCCCATATATTGATGATCATAAATCATCTGTTAACTCAATTGCTTGGGCCCTCAT
GAAGTGGGTCTTTGTTTGGCATGTGGTTCATCTGATGGCAATATCTCTGTATTCACTGCAAGAGCAGACGGTG
GTTGGGACACCTCTAGGATCGATCAAGCTCACCCAGTTGGAGTCACATCTGTTTCATGGGCTCCATCTACCACA
CCAGGTGCTCTTGTCGGATCCGCTTTACTCGATCCTGTTGAGAGCTATGCTCAGGCGGTTGCGACAATACAGT
CAAGGTGTGGAAGCTGTACAATGGAGTTTGGAAAGATGGATTGCTTTCCAGCTCTCAAATGCACACTGATTGG
GTTAGAGATGTTTCATGGGCTCCTAACCTTGGTCTGCCGAAATCGACAATTGCAAGCGCATCTCAAGACGGGA
AAGTTGGTATCTGGAACGTAGTCAAAGAAGGAGATCAATGGGAAGGTAAGGTTCTAAAGGACTTTAAACCC
CTGTTTGGAGGGTATCATGGTCGTTAACGGGCAATATCCTGGCCGTGGCTGATGGAAATAACAATGTTAGTTT
ATGGAAAGAAGCAGTGGATGGTATTGGCAGCAGGTTTCAACTGTTGACCCTTAATGTCCTCTTTTTTACTTTT
TTTCTTAACAACAGAATTTGGTATACTTTACACAATTTAACTCTG

>trans_s_1110 NM_119689|Arabidopsis thaliana BSK1 (BR-SIGNALING KINASE 1); ATP binding /
binding / kinase/ protein kinase/ protein tyrosine kinase (BSK1) mRNA, complete cds

CAGGAGGATGCCCCAGCAGCCCCTGTAGCCCCTGTAGCTCCAGCAGCCCCTGTAGCTCCACAACGCCCTTTAT
CGTCGATGGGTGAGGCCTGTTGAGGATGGATCTCACTGCAATTCATCAAATCTTGTTATGACACACTACAG
AGATGATGAAGGAACTAATGAGCTATCTTTCAAGAGTGGACACAACAGATGAGCGATATGCTGGAAGCAAG
AAAGCGTGGGGATTTTGCTTTGGGACAAAAATTTTAAAGCTGCAATCGACTGCTATTACAGTTTCATAGATG
TAGGAACTATGGTTTCCCAACCGTGTTTGCTCGACGAAGCCTATGCCATTTGTTGTGTGATCAACCCGATGCA
GCACTTCGGGATGCAATGCAAGCACAATGCGTACCCAGACTGGCCACAGCCTTCTACATGCAATCGGTTG
CCCTTGCAAAGCTGGATATGCAGAAAGACGCAATTGACATGTTGAACGAAGCAGCTGCGTTAGAAGAGAAGA
GGCAACGAGGTGGACGATGATCACTAAAATGAACCTACTCAACATTGCTGTAATTACAAGCATACTGGTGTG
TTTGTGCTGAGGCTACCACAATTTGTATAAAGTGTGAGCTGATTTCAATGTTGGGCCAAATCACCAGTACAG

GAGAGAGGCTAGGAAAATGGGTTCAGTTATCAGTAGTAGATTTGATTTCTAGGAGTCTGCTAACAAAAGGGC
TCCTTGTCTCCCTTTCTCAGCAAAACAAGACATGACAGCCAGAATCAAGGACATAACCATTATTACTCTTCCA
TTTCCTTTTCCCCCTTTTCTTTTTCATTTGATATTTTATCCCAAATATGTGTCCGTACTATCTAAAGGATCTAGGA
CTTTTGGTCGTGAGTATAATAAATTAATAGTAATATGAAAAGTGTATTCTATTTTATTACCTTTGTAGTTGTTTA
ATTCTATTCTAATTGTTATGAGATTCATTTCTAAGTCTGTAACCAAAACCAAGAACGTAGTTCGGTTGGGAA
ATGAAGGGTGATAAAATCTAATTATATTTTCGAGATTATATTTTCGAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1111 AM162551|Papaver rhoeas mRNA for soluble inorganic pyrophosphatase (p26.1b
gene)

AATCTTTCAAGGTTTTGGATGTTTTACCCTTCGCCTTTTTCTTTAATTTGTTTCAGAGCTTTTTTTTTCTTTTTGT
TCTTTAAGCTGTTGCGATTCAAGTATGATATTTCTTTTATTATGTTTTCTTCGTGGGTTTGGTTTGATTTGATTACT
TTGCTTCGTACTCTGTTGTTTACTGTTGATTTTGTAGTTTTGAGCTTGAATGAATGATCCCATGGGGAAGAAAA
ACAAAGCTCGACGCACCCACGAAGAGAGAGAACAACAAGAAAGGCGAATATGGAAAACAGTGCTGGAGG
AGGAAGTTCTTGAATATGGGGTTCCCTAGGATTCGGCTCAATGAAAGAATTCTTTCTTCTTGTCTCGAAGAT
CTGTCGCTGCTCACCTTGGCACGATTTGGAGATTGGACCCGGTGACCGACGATTTTCAACTGTGTTGTAGA
AATAGGCAAAGGCAGCAAGGTTAAATATGAGCTTGACAAGGCCAGCGCCTTATAAAAGTCGACCGTGTACT
TTACTCATCAGTTGTTTATCCACACAATATGGTTTCATCCACGTACAATTTGTGAAGATAGTGATCCTATGGA
TGTTTTGGTACTGATGCAGGAGCCTGTGCTACCAGGATCTTCTCCGAGCTCGTGCTATTGGATTGATGCCTA
TGATTGACCAAGGAGAAAGGGATGACAAAATCATAGCAGTATGTGCCGATGACCCTGAATTCGCCATTATAC
AGACATCAAGGAGATTCCCCACACCGTCTGGCTGAAATTCGCCGATTCTTCGAGGACTACAAGAAGAACGAA
AACAAGAAAGTCGATGTGGAAGACTTCCTGCCAGCAGAAGCTGCCGTTGATGCCATTAAGTACTCCATGGACT
TGTATGCTGCCTACATAGTTGAAAGCTTGAGGCAGTAAGTTTTCTTTTAAATGCAATAAGAGATTGGCTGTT
AAAGAAACAATTAGCAGCAATTTACTGAGGCACACTTACTGCCTCATCTTTTAACCCATCAAATGTAAGTCT
CAATTTTTTAGTATGAACAATGTATAAGTGGAAGACTTATGTATGCCTCCTTCCACGTGCAATACATTTTATTC
AAATTGGAGCCTATTCTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1112 NM_147887|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT5G22050) mRNA,
complete cds

CATTATTGAATTTCCCCACCAGGGTTCTCCATTTTGCCTGCCATGGATCCATGGATTCACAGGTTCAAGGCATC
GCCTCCTCGCATGGTTTCACCGATCTCGTTCTGTGCCTATATTATACGTGAGGCGTTTTCTACAAGGAAGTA
AAAAGGGCAACTGGTGGGTTCAATAGAGTTGTGTACCAATCCTCGGAGTGCTGCTTATAATGCTAAATTTCT
AAGATGGCAGAGTTGCATTGGTAAAAGAGCTGAGAGCTTTGAATGACAATCTTTTTTATACAGAAGTCCAGCT
CCTTGGACGCTTGACCATCGCCATCTTCTTACATTGCGAGGCTTCTCCACGGCGGGCCATAAGAGATTGCTCG
TGTTTGACGAGATTGGAATGGAAGCTTGAGGGATCTTCTTAATGATCCTCTCAGGACTCCCTGAATTGGAG
GATGAGGCTACAAATAGCCGAGGTGTGGCTGCTGCTAGTGAATACTTGTTTTCTTTTACCCATCCTCCGATGT
GTCACGTATCAATTAGCTCAAGCACTATTATGCTAGACGAAAATTTCACTGCAAAGATATCTGATGTTGGCTTT
CTCTGCTCCCCTGTAAACATCACTGGTTATCCAGATGCACAACAGTCAGATGATTTTAGGGATGAAAAATGTG
GAAACATTATTTACCAACTTGGAGTGCTGATCCTGGAAGTATAACCGGACAATCATCAGATGGAACAGGGG
CTGATCTTATCAGGTGGATTCAAGGGACAAATTTTGAAGATCAATGAACAAGATGATTGATCCTGATCTCGG
AAATAGCTTCGACTACAAAGATGTGAGGAACCTTCTATCAATAGCAAGATTGTGTATAAAGTCAAGAGAAAAG
CCAAGATTCTCCGTTGCTCAGATTTTTCGGTATCTGCAGAGTAAAGTAGATTTGACTAGCTACTAGTGTTATTTCT
CTTACCCTTCTATTCCCAAAACTTCTTTTTCGGTTTCATTCAAGACTTTCTTTTTTATATCCACATAAATTAAT

TGCTTCATTAGGAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGTGTATTGTTGTTCTTCTAATACCCCCTCATAAGCTCG
CATATGGTTACTCTTTTTCTTCTTCTTCTTTTTCTTGAGCT

>trans_s_1113 DQ121387|Nicotiana benthamiana PHB1 mRNA, complete cds

TGTTCTATTTCTTTTCGGACCCTAAAACCCTCTTCTCCATCGTCTCTATTGTGAATTCTTCACCGCCATTTCCATTG
TGTTCAACATTTTCTCTCCAGGATGGGTAGCAGCCAAGCCGCTGTATCATTCTCACCAATATTGCTCGTGCTGC
TTTCGGTCTCGGCGCCGCTGCATCGGTTCTGAATGCCTCCCTTACACTGTCGACGGTGGTAAAAGAGCTGTTCT
TCTTCGATCGATTTTCGGGGTGTAAATCGACGAGACTGTTGGCGAGGGAACACATTTCTTGATTCCATGGCTTCA
AAAGCCCTTTATATTTGATATTCGTACGAGACCACACACTTTCTCGTCTGTTTCCGGTACTAAAGATCTTCAGAT
GGTAAATCTGAGCCTTCGTGTTCTCTCTCGTCCTGAGATTCTCGACTCTCAGATATTTTCAAACCCCTAGGTCT
AGAGTACGACGAGAAGGTCCTCCCTTCAATTGGAAATGAGGTTCTGAAAGCCGTCGTCGCTCAGTTTAACGCC
GATCAGCTTTTACTGAGCGGCCTCACGTTTCGGCTCTTGTCGTGAGAGCTTGGTTCGGAGGGCTAAGGACT
TCAACATTGTGCTGGATGACGTTGCTATCACTCATTGTCTTATAGCCCGGAGTTCTCCAAGGCAGTTGAGCAG
AAGCAAGTAGCTCAACAAGAGGCTGAGCGTTCAAATTTGTTGTGGCCAAGGCTGAACAAGAAAGAAGAGCT
GCAATTATTAGGGCTGAAGGTGAAAGCGAGTCAGCTAAGTTGATTTCTGATGCTACATCGGCTGCTGGTATGG
GTTTGATCGAGCTGAGGAGAATTGAAGCATCAAGGGAGATCGCATCCACCCTCTCCAAGTCGCCGAATGTGG
CCTACTTGCCCGGTGGTCAGAACATGCTTTTGGCTCTGAATCCGAGCCGGTGAATGAATTGGTAAGTGTCTTCT
GAAGAGGTGCTCCGAACATAAAGATGATCTGCTGGAATGACTTGTCTCACACTTTGAGTTCTCCCCGTCGTAT
GCGTAGTGGTAAATGAACATTATAGAATAAGAACTTTTAGCATTTTTTTGTTATTCTCGTAAAAATTAGTTTG
ATGAGCGAGAACGTATTATTGATTAAGCAACAATCTTCACTG

>trans_s_1114 XM_002885596|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata enoyl-CoA hydratase/isomerase
family protein, mRNA

TTGGATTTACGGCTTCACAATTCTTATTCAAATCCTCTACGCTTCCTCTCTCTCAAACCCCTTCCTTCACTCACTCTC
TTCCACATCCATTCTAATTCCTTTTACGGCGAACCTTGGCAGCCATGGCCGGCACTGATGATCAGTTTGTCAA
AGGCAGCGTTTCATCCTAATGGCGTCGCTGTTATTACTCTCGATCGCCCCAAAGCTCTCAATGCCATGAACCTAG
ATATGGATATACAATATAAAAAGTATCTTGACGAATGGGAGGAAGATCCAAGGGTCAAATGTGTCCTTGTCG
AGGGCAGCTCACCTCGTGCTTTTTGTGCAGGAATGGATATTAAAGGGGTTGTTGCTGAAATTCAAAGGACAA
AAACACTTCTCTTGTGCAGAAGGTATTTACAGCAGAGTATTCTTTAATATGCAAAATTTCTAATTACAAGAAGC
CTTACTTGTCTTCATGGATGGAATAACCATGGGATTTGGGATTGGCTTATCAGGTCACGGTCGTTACAGGAT
CATAACTGAGAGGACTCTCCTTGCCATGCCAGAAAATGGAATTGGTTTGTCCAGATGTTGGGTTTTCATACA
TAGCAGCACAAGGTCCAGGAGAAGGATCGGTTGGTGCATACCTTGGACTGACTGGTAAAAGAATTTGTCGCG
CATCTGATGCACTATATGTCGGTCTGGGAACACATTATGTTCCATCTGGGAACCTTAGGCTCACTGAAAGAAGG
GCTCTTGACTGCTACCTTCTCCGAGGATCCGCATCAGGATATAAATACGCTCCTGACAAAATACAGTAGTGACC
CTGAGTCTCCACCATCATTGAAGTTACTCTTACCTCAAATAACTTCATCCTTCGGGACCAACAAGTCTGTAAAGG
AGACAGTTGAAGAATAAAAAACACCAACTTGATTCATGTTCTTCAGTGGTGGAGTGGGCTAAAGAGTCTCT
TCAAGGAATAGGAAAGGGTGCTCCCTTTTCACTTGCAATTGACACGGAAGTATTTCTCAAAGTTGCAGCTGCA
CGTGGCAAGAGTAACGACGAATTATCCACTCTGAATGGTGTATGAGAACTGAATATCGTATTGCCTTGAGAT
CTTCCCTGCGCAATGATTTTGCTGAAGGAGTTCGAGCAGTTTTG

>trans_s_1115 HM122527|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL11) mRNA,
complete cds

AAATCAAATCCCCTTCTTAAACCTCTCTCAACTTCATCCACTTGCTCCCCAAGGAACCTTATTCCTTTTGATTTT
CATCTTCGCTAAAAAAAATTTATTTTTCTTTTTTCTTTTCTAGCTTTAACTAGCGCTTGATTCTTCTGAAAACAGGTA

ACAGGGCGAAAGCTTTCTTTTTCTTTCTGGGTTTTCCACAGAGTTTCGATGATTATGAATGGGATTTAGAG
GATTCGAGAGAAGGTTAGAGATTTGAGGATGAAGATTCAGTGCAACGTCTGTGAGATGGCTGAAGCCACCGT
TCTGTGTTGTGCTGATGAGGCGGCGCTGTGCTGGGCTGTGATGAGAAGATTCATGCGGCCAACAAAGCTTGC
AAGCAAGCACCAGAGAGTTCTCTCTCTGGTTCTTCATCTCAGATGCCTAAATGCGACATCTGTCAGGAAGCTA
GTGGATATATCTTCTGTTTAGAGGATCGGGCGTTACTTTGCAGGAAGTGTGATGTTGCCATACACACGGCAAA
TACTTATGTAAGTGGTCACCAACGCTTTCTGCTTACTGGTGTGAAAGTGGCACTTGAGCCTACCGATCCTGTTG
CTTGTTCTTCCATGGCTAAGTCACATTCTCGAGAGAAGTCTACTGAACTAAAGTTAGACCACCATCTGAAAGG
GAATTCTCGATGCCTTCTCCTACTGAACTCAGCAGAAGCCTGTCTGTACTAGGTGGATCTGAGGACTTTATGGC
AAATAGAACGTTGCTTACCGGAAGCGGGGATTCTGGTTCTGGTGGCTTTTCACAGTGGCAAATGGATGAACTT
ATTAGTCTTACCGGATTCAATCAGAACTATGGGTATATGGACAACGGATCATCCAAGGCTGATAGTGGAAAGC
TTGGGGATTCTGATTCATCACCAGTTTTGAGAGCTGCTGACATTGAACTGGACGATGACGATGAATGTTCCGG
TCAGGTTCCAGAAGCTTCTGGACTGTGCCTCAGATTCCCTCTCCGCCTACAGCGTCAGGCTTATACTGGCCAA
GGAGTTACCATAATTCTATGGATGGTGTGTTTTTGTTCCTGACATCTGTTCTTCCGGAAAGGTCAACATTGCT
CACGTAATGGTACATTTTCGAAACGAAGAAGACAGTTCTAGA

>trans_s_1116 AB182930|Citrus lanatus mRNA for RNA-binding protein, partial cds

AAACCCACCAATCTTCTTCTCCTCCAAATCCATTCTTTCACAGATGAAATCGATGAACCTACATCAACAAAACC
TCGATTTACGCCTTTCCACCGGCGGACCTTTCAATAATTTACCGGAAAAGCTAAATGGGTCTGATCTAGAAAGC
GGAGTTACGGATGTCAACAACAGAGTCGACATCCGCCGAAGACACGGGAAGAGGAAGCGAGAAGAAGATCC
GAACAACAATCCGCCGTTCAAGAATCGGAGAGGTAATTTTACGAACAATGTCGACCTTAACAAACCAGATCCT
CCTCTGCAGATTTTATATCCTTATTCCTCGTTGCAATACGTTCCGTTTTTCAATGGCTATGGCTATGCCTACCCCT
GTCTTGTTCCGTACTGGCCCCCGATGAGTCTCCGGTGGGTTGCCGGATTGTTTCTGATGATGGGGTTTGAAT
AAGAAATCTGGGTCTGTGGATCTTCCCAGTTTGTAGTTCTCTGTTGTTTCTGATAATCATCACCATAGTTCT
TCATCTCTGAAGGTGGTTGTAGCAATTCAAGTAATTCATCAATATCTATGAAGCATGTTAAACCAAAGCCTTG
TAATAAGAAATTTGTTGAAGATAAATCCTCTCAAGTGAAAAATCTTCTCATCTTCAATGGAGAATGGGAAA
CCTCCAAAGCCTCAAATCCAAACCCAGAATAATGTGGCAAGTTTTGAGCAAATGCCTTGTTTCAACAACAG
GGATTGGTCTAATGGTACCAAATCGTAACTACTGGCTTCTGTATCGATACTCAAACCTGGAGGTTAGTATT
TTGTGTGTCTGCCATGGACGATCCTTTTCGCCAGCCGAGTTCGTTAAGCACGGTGGCGGCGGAGAAGTTTCTC
ACCCTTTGAAACACATTACTGTTCTTCCACCTAATGGATTTTTCCCTTCTTCAATCAGATGAACTTCATAGATTT
TGAGCTTAACATTGTTTGTAGAGATCTGGCAATGTGGCCGACGATTTTGATCCGGTAATATTTTGCATTTGTA
ATCAGTGGGATTATTAAGGGGGGAAATTTTTTAATCCCTGTTTAACTAAATATTAAGAACAGCCACATT
AAAACGGCCTTGACAAAAA

>trans_s_1117 NM_148389|Arabidopsis thaliana RNA binding (AT4G32175) mRNA, complete cds

TTGCGCGTATGACTTCTCTCTTTCGTGTTTCATCGCTCACCATTCTTCTGATCGCCGCTTGAAGTACAAGATTT
CTTTTACTTGTATCCGAGCAATGGTTGAAAAGCCCTCTAGTTCGTCTACTCTCGTTGATCAGCCAGTTGTT
CCAGGAGATGTGGTTCTTGACCTCTCAAACATGACCAACGAGACCATCAAGCTTGGAGGCGGTCTTCGACAG
GACCAAGATGCTATTTCTGTCTCAAAGTTGGAAAACCTAGTTTCTCGAAACCAAACAAATATTGGGTTGAAA
GCTCACAGAAAAGGTACGTGCCATGTGCGGAAGATTGTGTCCTTGGAATCGTGCTTGACTCTAGAGCCGACA
ATTTTCTTGTGACATAAAGGTCCGTCAATTAGCTTTTCTCCCGTTCTTGCAATTGAAGGAGGAACAAGGCGA
AACATACCAAAATTTGAGATGGGTGCCCTGCTTTATGTGCGCGTAGTGAAGGTAAACCCTGGAATGAATCCTG
AGTTGGCATGCACTGATGCAAGTGGGAAAGCAGCTGGATTTGGCCTCCTGAAAGATGGCTTCATGTTTGAGT
GTTCAACTGGCTTATCAAGAATGCTTCTAAGTTCTCCCCACGTCCAGTTCTTGAATCTCTTGGAAGAAGCTTT
CATTCGAGACAGCAATTGGTTTAAATGGCCGCGTTGGGTCAATGCTGATTCTCCGTCTACAATCATTGTTGTT

TCAAATGCAATATTGAACTCCGAAACTCTGTCTGGTGTTC AACAGAGAATCATGGTGGACAAACTCCTTGCCA
ATTTAAAGCTGTCAAGTTAAATTTCTAATTTATAGTCATGTATTATTTAACTCAAGTCTTACGAAAACAGTAACC
AAATCTTTTCTTCTCTTTGAAATTGAGAAAGATTACGATTTAATTGTATTATTAGCTCTCAAGTAAATGGCT
ATTTGGTCTACTTGTTAAGGAGTTATTGGCCCCGAAAAAGAATTAAGATAGTGTGTGGATCAAATTTTCATAA
TTCTATTTGTTTAGCAGATGTACCTGAAGGGAAAGAAGAGCAGACATACTCCAAATTTAATTTGTAAATTGT
TCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1118 NM_101258|Arabidopsis thaliana remorin family protein (AT1G13920) mRNA,
complete cds

GAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATTCCTCCCTCTTCTCTCTAATATTATCTACTAATTTTCAGGTCA
AGATATCCTAAGCCTCAACAGAACAGAGAAGCACAAAGCAATAGAACAGACGTATATTTGGCTCCACACAAAT
CTCCATCGTTTAGAGAGAAAAGAACATTTGGGAACTGGTTGGGGAGACAATTTTCACGCCAAATGAGTCGAG
GGAATGAGTTCTCCGACGACGGAATAGAACGTGTAGCCGCGGTTGCAGCGGCTGTCTTTCGAATTCATTTGGT
TGAAGAATCAGAATTCTCAAAACCTCTGAAGAAGATTGATCGTCTAAATCGTCGACACTTCCAAGGATAAGG
ATCGTCGAAGAGGATAACCGTACCCCGCCTCCACGTCCGGCACCGGAACCTGATAGGATTTTACGGCCGTTCT
CAATAGATGTTGCAAAGAATCCTGAAGAAGCGACCGGCGAGAAACCGGCAGCGAAAACCGAACACAAAAA
CAGAAACCAACGGGAAACATAACCTTTCCTTCTCCACCCGTCGTGTACGACTACTCCGGCGACCGCGGAAGAA
CTGAAACAGAGAAACCGTTGCCAATTCCTCGACCTCCAACCTCCACCCATCTCTCGAAAACCACTACTCTCA
ATCCAAACAAGGCCTGAAGAAACCAAGCAGATCTCTGGGAAAAAGCAGAGCTTGCTAAAATCCAAGAGAGA
TACCAGAAGGTAAACGAGACAATTTCTTACTGGGAAACGAAGAAGAGAGAAAAAGCCATACGCAAATTTGAA
GCATCACAGGTCTTGGAACAAAGAGGAGTGAGAGGGAAAAAGGAAGAAAAAAGTTTCGAGGAAGATATGG
AATTTATCAAGCAAATTGCTGGAGAAGCAAGAAGCAAAGCAGATCGTAAGAAAAAGAATGAGATTCTTAAAG
CTAATCGGAAAGCTGATATTATTAGACAAACAGGGGACCTTCTGTCTTCTTGTACTGCTGCTGAAGAACATTA
ACAATATGTTGACCATCAAATTACAATGATTGACTGCTTTTTTTCTTTTCTTTTGTGTTTACATGACCGAAT
GAATGCTTTGTGAACAAAAATAATCAATAATTCAGGTTGTTTTCAGAAANAA

>trans_s_1119 AY323226|Lycopersicon esculentum fructokinase 3 mRNA, complete cds

GCGGCGCCGCGCAATGTTGCTGTTGGCATAGCTCGTCTTGGTGGCTCATCTGCTTTTATAGGCAAGGTTGGTG
CAGATGAATTTGTTTACATGCTTGCTGATATATTGAAGGAAAAACAATGTGTGCAATGAAGGGATGCTGTTTGA
TCCTGGTGACGAACTGCATTAGCATATGCTACATTGAGGAGTGATGGGGAGCGCGAGTTCATGTTTTATCGG
AACCTAGCGCTGACATGTTACTTCAGGAATCTGAACTCAATTATGATTTAATCAGGAAGGCAAAGATCTTCCA
TTATGGTTCTATCAGTCTTATTACTGAACCATGCAAGTCTGCTCACATTGCTGCTGCAAAAACCGCAAAAGATG
CTGGTGCAGTCTTTTCTATGATCCGAATCTGAGGCTCCCTCTGTGGCCTTCTGCAGATAGTGCAATTGAAGGG
ATTCTGAGCATATGGGATACCGCTGATATTATTAAGATAAGTGAAGAAGAGATTAGTTTTCTGACAAGAGGAG
AAGATCCATTTGACGATGCTGTTGTTTCGTAACTGTTTCATCCAAATCTTAAATTGCTTCTGGTCACTGAAGGTC
CTGGGGGTTGTAGATATTACACCAAGGAATTCAGTGGAAGACTGAAGGGTCTAAAGGTGGATGCAGTTGACA
CCACAGGCGCAGGGGATGCTTTTGTGCTGGCATTGTGTCTCAGCTAGCAACTGACCTCTTTGCTTGAGAAA
GAGGATAAACTTAGAGATGCACTCCTGTTTGCTAATGCTTGTGGTGCATTGACCGTTAAGGAGAGAGGGGCC
ATCCCTGCTTTACCAAACAAAGATGCTGTTCTGAATGCAATCTTCAAACTGTGGCCTAAGCTATTGGTTTCTCT
CTCTAGGTCTGTATGTATAATATATCCAAGACTTTATTTTCCACAAATTTTGGGCAGATTTTAGTCTCTCCCAATT
GGTGCTGCTGTATGATATGGTTTAGCAGCTTGTAAGTTAATTTGTAGATTGGATCTTCCATTGTATTGAAAC
GATAATCTCTGCCATTTTATGGCAACGAAACAACGAATGATGTGGCTCTTGTGCTCCAATGTTTCTTCAGATTT
TGATTCTAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1120 FR669117|Vitis vinifera mRNA for calcineurin B-like protein 01 (CBL01 gene)

GCTCTCCAATTCCAATTCCATTACCAAATTTTCTTCCTTCTTCAGGATCCTTTCCCCTCATTTTGCTCTCTCCTCT
AACAATCTCTCCCCTTCTCCTTTGATTCCTCCGCCACACCATTCTTGTGAAACAGAGGAGGCAGCTGTTGGTTTT
GCATATTCCATTATTTTTTCCAGTAAATGGGCTGTGTTCCGTCTAAAGGAAGAAGGCATTTCCCTGGCTTCGA
GGATCCTGTTTTCTTGCTTCACAAACGACTTTTAGTGTGAGCGAAGTTGAAGCTCTATTGAGCTTTTCAAAA
GCATCAGCAGTTCGGTGATAGATGATGGGCTAATAAACAAGGAAGAATTTTATTGGCTCTCTTCAAGAACAG
GAAGAAAGAAAACCTCTTTGCAAGCCGGATCTTTGATCTATTTGATGTGAAGCACAAAGGAGTTATTGATTTT
GGTGACTTTGTTAGAGCGCTCCATATATCCATCCAAATACTTCTATGGAAGACAAGATAAATTTTTCATTTAG
GCTTTATGACTTAGATAGTACGGGCTTTATCGAACGAGAAGAGGTTAAGCAAATGTTATTAGCACTTCTTGGT
GAATCTGAAATGAAGTTGGCTGATGAGACCATCGAGGCGATTCTTGATAAGACATTTTTGGAAGCGGATACA
AAGCAAGACGGGAAGATCGACATGTCAGAATGGCAATATTTGTTTCCAAGAACCCCTCGTTATTAAGGATCA
TGACACTCCCTTATTTAAGGGATATAACGACAGCATTCCCGAGTTTTGTGTTTTATTCTGAGGTGGATGAGGCT
GCTGCCTGAAGAACTACATAGAATTGGAATTGTGATTAGCTAGATTACCTGTTAATGACATATTTTTATTTTG
GTTATTCTTGGAACCAAACAGTTTGAAGGTGAAATAATGAGGGGGAAAAAAGAAAGAAATTAATAAAAAA
AAAACAAAAACTATAAGGATTTTAGATTTTTTTTTCTTAGAAGAATTTGGGAAAAGTCCTTGTGTGAGCAATA
ATAGTGCTCGGTTTTATGTAAAGCATCTTCATCTAATTTTGAGTTAACATTTACATTACAAAATACATTCCTT
TTTTCTTCTTCCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1121 AY039860|Arabidopsis thaliana AT5g27210/T21B4_120 mRNA, complete cds

AACGATCGATTGAGCTGGTGGAAAAATTTTGAATTCATTTCTTCACTTTCAAATATTGAATCGACGATCTTCT
TATGGAAATTCGGAGAGATCAAGGTTGAGAACCGTTGCTCCCGATTCTGTTTCCACCAAGTTGCAATTCACCC
TAGACCATGGGGATTCTACTTCAAGTTCCTACAGTTGGCTTTTCCAGTGCCATGGATTTTGGTACAACTGTTT
CTGATTGTTCTAGTCTTCTTTTCGTTCTCTACTTGGCATTTCGGGCCAAAAAGAGTTTGTCCAAGCTCTCCAAT
GGTCGTTCTTATATCATTGTTGCATATTATGGGACTCTTTGGATTGTACCTTGCTTAACCTTCGCTTGGTGCTTG
TTTCAGGGGTGGGAATGCAGCTCTGGAAAAGAATTAGCATGGAATGTCTTGCTTAGCCACGACATCTGGAA
TGCCATTCTTGGAAGTGAGTTTGTGGCGTTTTTATTTCAAGGAAATAATGTGGGCAGTGTAGAAGCGCTTGC
ACGAACATTTATCGTGTGAGGAATTTTGTGGCCTGGACTTGGTTTTGAAGGCGATTATTTGTTTGGGTTTG
GAGTTCCATTGTTTCGTATTAAGTGACGACAGTACACATGGAACAAAGTGGAACTTGTGGGTGCTCCACCGTCT
GTTGATTACTGCAGCTTATGGTTTTATATTGTTTCATGTACCATTCAAGCCATAGAGAGAAATTACCAGCAAGAC
CTGCTTTCTACAGATACGTAGTTATCATGGCCTCTTTGAACGCATTGGCACTGTTTGCTTGTTGGGCTCGCTGGA
AGTGGAGCTGGTTTTGGTTATTGGTTGTATGGTGCCACTGTCGTCTGTTATCATGCCTTCTATCTTCCCCTTCTG
TACGAAAAATTTCTTGCCGACTTCTTCCAGGAGGACGATTGTCATTGGAGAATGTATACTATTCGGAGATGAA
GGACGCTGGGTTTTTGGACACCGATTGGGAGTGAGGATGACGATTCCGAGGTTGCTACTTATGTAAATTTAC
TCAAATATATGTTAATGGTAAAGCAAGATGCAGGTAAGAATCTGGAGTGAGATTAATGTCTAGTGATGAAGC
TAATCTTCAATGTTCTATGAAATCCTGCCTCTTCTT

>trans_s_1122 NM_001085295|Arabidopsis thaliana CPL4 (C-TERMINAL DOMAIN PHOSPHATASE-
LIKE 4); phosphoprotein phosphatase (CPL4) mRNA, complete cds

TTGGACCCCAAGAAGGAGTACTTCAGTTCCAAAGTTATTTCTCGGGATGATGGCACTCAAAGCATCAGAAAG
GTCTTGATGTGGTGCTGGGTAAGGAAAAGTGCTGTTCTGATCCTCGATGATACTGAAAATGCATGGACAAAACA
TAAAGAAAACCTAATATTGATGGAGAGATATCACTTTTTTGCTTCAAGTTGTCGTCAATTTGGCTTCACTGTA
AATCTCTATCTGAGTTGAAGAATGATGAGAGCGAACTGATGGGGCACTGACAACCATCCTGAAAGTTCTGA
AACAAGTCCATCATATATTCTTTAATGAAGTCTCGGGTGATTGGTTGATAGAGATGTGAGACAGGTACTAAA
GACTGTTTCGTGCTAAAGTTCTCGAGGGATGCAAAGTCGTCTCAGCCGTGTTTTTCTACCAAATTTAGGCTG
AGAACCATCATCTCTGGAAGATGGTAGAGCAGTTAGGAGGCACTTGCTCAACCGAACTCGACCAATCCGTAC

ACACGTGGTCTCGACGGATGCTGGAAGTCAAGTACGTTGGGCTTTGAAGGAGAAGAAGTTTCTGGTCCA
TCCACGGTGGATAGAAGCATCAAACACTTCTGGAAACGACAAGTGAAGAGAAGTTTACCCTTGAGCAAAC
CAAAGTCGAGCAAACCAAGAAACAATGACACCGTTTCTGTTTATTACTGTAGTAGTTCCACATATCACTTAAAT
GGATCATGGACATGTTGGGGTGGGGTTTGCATTCTGTGCTCTTAGTGTTCCTCCCATAAATATTACTTAGGACT
CTCTCACCTTATTTGTAGGTCAGCGTCTCATTTTTGAAGTAACCTTAAATCAACTTCAAGGGTTGATTGAAAT
TCAAGCTCTTTTGGTCTCTGTAGATGTGTAGATGCGTTGCTTTGTAACCATTTTGGGTTGGGTTATAATCATAG
GGCGTGTTATTTTTGGCTTGTAATTCATTTTAAAAAAAAATTTCAAGCCCTAACAACTATGATTCTGTATTTGTA
ATTCTGCTAATGTATTTGTCTCATATCAAAGACAGCATTAGTTGATAAGTTTCACGACGGAAAGATCAGTGTTA
GAATTTTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1123 EU117119|Nicotiana benthamiana serine palmitoyltransferase long chain base
subunit (LCB2) mRNA, complete cds

GAGGGCTAATTATTAGCGATTCATTGAACCATAATTCAATAGTTAACGGTGCTCGGGGATCAGGTGCTACAAT
TCGTGTTTTTCAACATAATACTCCATCACATTTGGATAAAGTTTTGAGAGAGCAAATTGCTGATGGGCAACCTA
GGACACACAGGCCTTGAAGAAGATAATTGTTGTCGTGGAAGGCATTTACAGCATGGAAGGGGAAATATGC
AAACTCCCAGAAATTGTTGCCATTTGCAAGAAATATAAGGCCTATGTCTATTTGGATGAGGCTCACAGCATTG
GAGCAGTCGGAAAAACAGGAAGAGGTGTTTGTGAACTTTTGGGAGTGGACACTGCTGACGTTGATATCATGA
TGGGAACTTTTACTAAATCATTTGGATCATGTGGAGGCTATATTGCAGGATCCAAGGAGCTTATCAAATATCTC
AAGTACACATGTCCAGCTCACCTCTATGCTACATCTATATCACCACCAGCTGCTCAGCAAATCATATCTTCCATT
AAAGTTATTCTTGGAGAGGATGGATCTAGTAGAGGTGCTCAGAACTTGCCAGGATACGTGAAAACAGTAAC
TTTTTTAGGTCTGAGCTACAGAAAATGGGATTTGAAGTCTTGGAGATAACGATTCTCCAGTAATGCCTATAAT
GCTTTACAACCTGCAAAAATCCTGCTTTTTCTAGGGAATGCCTGAATCAGAATGTAGCTGTTGTCACTGTTG
CTTTTCCAGCTACTCTTCTTCTTGGCAAGGGCTCGCATTTGCATATCTGCTTCGCATACAAAGGATGACCTCC
TTAAAGCCTTAGAGGGTATCAGTCGAGTTGGTGATTTGGTTGGTATAAAATACTTTCCCGCGGAGGCCAGAA
GCAGTCTGAAAATGATGATCCTCATAAGGAGGATTAGAAAGTAAAGGAAAAGGAGTTGAAAAAGAAATTGTT
TCAAATGTGCGTGATGAACGTTGGTAGATGGAGCTTGTGTGCAGACAGCTCCTCACATACTTGTACAGCGAGG
TAGAGACCAATTGGGTTTGTGTGAATACTGGAAAAGTTCCGAATCTGTATCTTGTACTTTAAGTCTGTAGC
CATATATGACAGACATGATGCGATCTTCATGAATTTTTGGTATAAT

>trans_s_1124 AY914602|Euphorbia characias aldehyde dehydrogenase family 7 member A1
mRNA, complete cds

TTTCAGTTTTCAATCGCTAATTCTCTACGGTGACATTACTTCCATTTTCTCTCTGGGTTTGATCTCTTACAGAGAT
GGGTTTGTCTAAGGAGTATGGTTTCTTGAGTGAGATCGGTCTTGGTTCTCGCAATTTGGGGTGTACGTTAAT
GGCGCATGGAAGGGAAATGGGCCAGTAGTTTCTCTTGAATCCTGCTAATAATCAGGTAATTGCAGAAGTA
GTGGAGGCTTCACTCAAGATTATGAGGAGGGCATGCAGGCATGCAGTGAAGCGGCAAAAATATGGATGCA
GGTTCCTGCACCCAAAAGAGGAGATATTGTAAGACAGATAGGAGATGCACTAAGAGCTAACTCCACCAGCT
TGGTCGCTCGTGCTCACTTGAGATGGGAAAGATACTCCCGAAGGGATAGGAGAAGTTCAGGAAATTATTGA
CATGTGTGACTTTTCTGTTGGTCTAAGTCGACAACTTAACGGATCAATAATACCATCTGAGCGCCCCAATCATA
TAATGATGGAGATGTGGAACCTCTTGAATAGTTGGTGTTATTACAGCTTTCACTTTCTTGTGCTGTTCTT
GGTTGGAATGCTTGCATTGCACTAGTTTGTGGGAACTGCGTTGTTTGGAAAGGTGCTCCAACAACCCCTTAA
TCACCATTGCAATGACAAAGTTAGTGGCTGGAGTTCTAGAAAAGAACAACCTACCAGGTGCGATTTTACATC
CTTTTGTGGTGGTGCTGAAATCGGGCAAGCAATAGCAAAAGACAGGCGTATTCCTTTGGTTTCATTTACTGGC
AGTTCCAAGGTTGGTCTAATGGTTCAGCAAAGTGTAAATGAGAGATATGGAAAATGCTTGCTTGAGTTGAGTG
GAAATAATGCAATTGTTGTCATGGATGATGCTGATATCCAAGTCTGCTGTTCCGGTCTGTTCTTTCGCCGCTGTT

GGCACAGCAGGACAACGATGCACAACATGTCTGAAGGCTGCTGCTTCATGAAAGCATCTATCAGAAAGTGCTT
GATCAATTGGTTGATGTGTACAAACAAGTAAAAATTGGAGACCCTCTTGAGAAAGGTACCTTACTAGGGCCAT
TGCACACGTCAGATTCAAGGAAGAATTTTGCGAAGGGGATTGAGATCAT

>trans_s_1125 NM_001125595|Arabidopsis thaliana VPS22 (VPS22) mRNA, complete cds

GGGAATTTTCTCTAATATCTTCCTCGTCCCCAAAAATAAGATCGGTAATTGTTGGTTCTCAACTTCGTTGAAGAA
CCCGCTTGAGTTCAATAAAATATCAAGGCATCCGATCGGAGCAACAAACCGAAATCGGAGTGAAAATGAGGC
GGAGACCTGGCATTGGAGGCTTACAGACAGCCGCGGCGGCGAGGGACCAATACCGCCAGCTGGGTGAAAAT
GTAGCGAAGCTCCGAAGTATGATGTAAGGAGCAACTCTCCACCTTCGATCTCAGTTGGAGGATTTTGCTC
GCAAACACAAGAAAGATATCAGTAAGAACCCGGCTTTCAGATCACAGTTCCATGAAATGTGTGCTAAAGTTGG
AGTAGATCCCTTGCCCTCAAACAAGGGGTTTTGGGCAGAGCTATTAGGCATTGGTGATTTCTATTACGAGATT
GGAGTGCAAATTGTTGACATTTGCTTGTCTACAAGACCCACAATGGGGGTTTGATTAGCTTACAAGAACTGT
GTACTTTGCTTCGGCAGAGACGAAAAAGTGATCGTGAAGCTGTTTCTGAGGATGACTGTCTGCGAGCTATAAG
TAACTGAAGATACTGGGAAGCGGTTTTGAGGTAATTACTGTTGGCAAGAAAAAACTTGTTTCGGTCAGTTCCG
ACTGAGTTAAACAAGGATCACAATGAAATTTCTTGAGCTTGCGCAGGCTCAAGGCTATGTAAGTGTGATGAGG
TAGAGAGACGACTTTCTTGACATCTGGTCGTGCAAGTTGATGCCCTTGATACTCTCCTAGATGAAGGTCTTGC
GATGATTGATGACGGCCACCGTGATGGTAGACGTCGCTATTGGTTTCCTTGTTTCTCTATCTCATCTTCTCT
CACAAGTATGCCTAACTTGATAATTTCTTTAGGAAACAAAGTACTTTGTAGTTTGTGCTACGGTAGAATCACA
AAGAAAATGTATTCTATGCCTTTTGTTGATGCTATTGTTTTTATTCCCTTTGTTTTATTATGTTAGTTGA
ACCTTGATGGAGAATGCATAAAGGAAAAAACACGTCTTCAAATAAAAAAAACATCATATATAGTTTACATG
TGAAGATATTTCAAACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1126 BT015537|Arabidopsis thaliana At5g18130 mRNA sequence

ATATCATTTTGCTTTTGGCAGTCCCCTGTCCAAGAGCTACAAGACACAACCTCTCAGAGGGCTTTGGCTAAACC
ACTTCTGCAAAAAAGTTTTGAATTTTGAGTCTCGTTTCATATAAAGTTCACCTTGTTGTGACTTTCTTTTGTTCT
CAGCATCCAATCATTATCTCTATTTCTCCCTAGTTCTTCTAGAGAAAAAGGAAAAAAATGGACCTCCATGA
ATGGGAAATTCTATCAGATGATGGGTTGCTTGATTACAAAGATGATCAAAGAAGATTGTTTCCGCTAAGAGG
CGTTCCGGTTCTGATGCTAAGATTGTGTTTGATATGAACTACTTCCTTTGTCCGTCAATGAATCTTCTTCCAAG
CAGCACATCAGCCAACCGTCTTCTTCAAGATTGGTTAGACAGCCGATTCTGTTTCATCTCTATAACGATTACCA
ATTGTCAAATCCCAGATGATGATTCAGTACTGAAAGAAAAAGAAAAAGGAGTCCATCGTGATC
GGTGTGTGCCATCAGCCATGAGTGAAAAGGATCAGAAAGGAGCTGTGGAAGCAGATCAAGATACTGTTACC
CAAGTTTTCTTCAAGAAAATGAAGGAAAATGAATTCGTCGACATGAACTAGACTACCCAGATCCAGTAACA
AAGGAACAAAGCCTCAAATTGATGTTGGGCATTATCAGTTTGATGATGGGGGTGAATCAAAGAGAACATTA
CAAACCTCCCTAGAATGAACTTGATCAGCCAGAAAAGCAACAAAGAGATTGATGCAAACAAAGATGAGATGA
ATTGGGATGGATCCATGGGTGGGTAAACATATTAAAGTGGAGTTTAAATGGAATTGGAGCCATTTGCTCCTT
TGGTGTTCAGCTGCCACTATTTGTATTCTGTTTCATGGAGGCAACCAACACAAGCTGAGAATCCAGATCTATA
CCCATGATAAGAAATTAAAGCAAGCAGTTCAGCAAGCCACTAGATTAAATGAAGCAATCTCAGCAGCAAGAG
GACTTCCACAGACAAGGGCTCATATAACCTGTGGTGGACACTATGGTGGGCTCTAAGGAAGCCAAGAGTTCCG
CTCTGCCTTGAAGACAACTCTAACACTAGAGGATGAATTGAGGT

>trans_s_1127 DQ787057|Glycine max bZIP transcription factor bZIP125 (bZIP125) mRNA,
complete cds

CCCCTTTCCCTTCTTCCCCAACCTCCATTTCTCATTTCAATCTTTCTTCTTGAGATTTTCTTCTTCTTTTCTC
CATTTTCCCATCTGGGTTCTCCTTCTTCTCTCAGATTTGTTTTTGGTCTTCTTGATGTTCACTACTCTGTTCTTG

ATGTTTGAAATTCATGCATCAAATTCCTCAGTGAACACATCCTCCTTTCTGGTTGTATGATCATAAACTCCACATT
CCGTCGTCATCACCTCGTTCAATCCTTCTCCGTTGTTTTCTTTACTTCTTATACTATGTTTCATGATTTTACCCCA
TTTTAAACAATACCCACATACCCAAATTCATAATTTCAACAATCAATCGATCTTATTACTACTCTTTTGTTTTG
TTTTTTTTTTTTCTTTTGCTTTGGGAATTCCTTCTTAATGGCTTCCTCTAGCGGAACATCTTCAACTTCTTCAT
CCATGGAAGAAGGGGAATTAGCAGCGTTGATGGAACAGAGAAAAAGAAAGAGAATGATTTCGAATCGGGAA
TCGGCCCGGAGATCCAGAATGAGGAAGCAAAAACATTTAGACGATTTAATGGCTATGGTCACTCAACTCAGA
AAGGACAATCAACAAATAGTCGCTAATCTCGCCGTCACCACACAGCACTACGCCGCCGTCGAGGCTGAGAATT
CCATTCTCAAAGCTCAGGCCGCCGAATCTCTACCGTTTGCAATCCTTGAATGAGATCCTCGCTTTCTTGAACC
CCTCTGATGGGGTTTTTGATGACGATACTTATGGCTGCTGCAACGGCGGCGACGGCGCTGGTGGCGGTGGAG
GGTTTTTAATCCTTTGCAAATGGCTTTTTATATGAGCCAGCCTCTTACGGCTTCTTCAGATGTATTTCAAGAGT
ACTGAAATTTGGGTTTCTTTTTTTTTTTCTTCTCTTCTTAATGGTATGAATTTTCTTGAATCCAAACAAGCA
GAGAGAAAAAAGAGAAAAAAGAGAAAAAATGGTTAGGGTTTTGATTTGTCACAATGAATAAGAAA
TGGGATAAAATGTGGGTTATTTTGGGTCTCAATCTTTACTTAAATTTATGTACTAAGAGTAATTGGGAACCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1128 FJ543466|Solanum lycopersicum N-acetyl-glutamate synthase mRNA, complete cds

AAGGAAGATTTCACTCGGTATAATGATTCAAATGGGAGTATTCATCTGCAGAATGGAAAGGCTTCTTTGGAAG
ATTATACTCCATTCCAGAATGGGGTAGGTTTTGGCCCTAATCATATGCCAGTATTTCAAACGGAGTTGGTTTT
GGTCATGGAACCGGGCTTTGGTCCTCTGAACAGGGGTTCCCATTTGGAGGTGAGCGGAATAGCCATATGAAT
GGTTACCTCTCAGAATTGGCTGCTGCAGCTTTTGTTTGCCGGGGTGGTGTTCAAAGAGTACATTTGCTAGATG
GCACTATTGGAGGAGTTTTATTGCTTGAATTGTTAAGAGAGATGGAATGGGCACTATGGTAGCCAGTGATCT
TTATGAGGGAACACGAATGGCCAGAGTGTCTGATCTTCGTGGAATTAGACAAATTATACAACCTTTAGAAATG
GCTGGTACCTTAGTTTCGTAGAAGTATGAAGAGCTACTTAAATCATTGGACTCGTTTGTTGTTGTTGAGAGAG
AAGGTCAAATCATTGCATGTGCGGCTCTTCCCTTCTTTGAAGAGAGATGTGGAGAGATTGCTGCCATTGC
AGTTTCTGCAGAGTGCCGAGGACAAGGGCAAGGCGACAAATTGCTTGATTACATGGAAAAGAAGGCCGCCTC
ACTTGGACTGGATAGGCTCTTTCTGCTGACAACACGAACGGCAGACTGGTTTGTTGAGGCGTGGTTTCTCAGAA
TGTTCAATTTGAAACAATACCTGAAAAGAGGAGAAGTAAGATAAATCTATCTCGAAAATCGAAGTACTACATGA
AGAAGCTGTTGCCAGATAGGAACAGGATTGGTAGCGTCGATAGAGCGTTTGCTTGAGGATTGACGGAGCCTT
GAAGAAGCAGTATTTTATTCTATATGTTGGTCAGGGAGGAAAAAATATACCTCGACCATAAGAAAGCAAAAT
TTCCTCTTGATTCTCACGGTCCTTGTTTTATCCTGTATCAATTGTGAGTCGTCACCTTGCTTACCCACATGGGTG
GTCATATGATTTGTTTACCAAGACATGTATATATTCTGCTGAAAAATATTTGATTATAGGTCTCCTTATAAAGT
TTTGATTGTCTACAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1129 NM_129647|Arabidopsis thaliana DPE2 (DISPROPORTIONATING ENZYME 2); 4-
alpha-glucanotransferase/ heteroglycan binding (DPE2) mRNA, complete cds

TGTAACACAGAGAAAAAATCGCCTCCAAACTGAAGTCACTTGTTGAAGAGACACAGTTGCAAAACCCAGACC
AGATACGACGCAGTCTTTTTGATCTTATACAGAACATAGTTCTTATGAGAGACCCAGAGAATCCAAGAAGTTTC
TATCCACGCTTCAATCTTGAAGATACTTCTAGCTTTAATGATTTGGATGATCACAGTAAGGATGTTCTGAAAAG
ATTATACTATGATTACTACTTCCATCGGCAAGAGGATCTTTGGCGGAAAAATGCTTTAAAGACCTTGCTGTTC
TCCTGGACTCTTCTGACATGCTGGCCTGTGGAGAAGATCTTGGTCTCATTCTTCATGTGTTTCATCCTGTTATGG
AGGAGTTGGGATTAATTGGTTACGGATTCAACGTATGCCGAATGAACCTGATCTAGAGTTTGGGATACCTTC
TCAATATAGCTACATGACTGTGTGCGCTCCATCCTGCCATGACTGCTCGACTTTGCGTGCTGGTGGGAAGAA
GACGAAGAAAGAAGGCGACGGTTCATGAAGAACATTATAGAATCTGATATATTGCCACCTAGCCAATGTATTC
CAGAGATAGCATATTTATCATATAAGCAGCATTTTGAAGCTCCATCTATGTGGGCTATCTTCCCACTTCAGGAC

CTATTAGCACTGAAAGAGGAATACACAACACGACCTGCAAAAGAGGAGACGATCAATGACCCTACAAATCCA
AAGCATTATTGGAGATTCCGTAGTCATGTGACATTAGAATCTCTAATGAAGGACAAAGAACTCCAAGCAACCA
TCAAAGGTCTTTCCCTTGAGAGTGGAAGATCGGTTCTCATGATGAAGCCAAACCAGCATCAAAACCAATACC
TG TAGATGTTGAAGCTAAGAAAGAAAAGAGTTCTCTAGCAACAAAGTCTAATGGAATACCACAAAAGGAGAC
ACTCGCAGTCACATAAATGCAAACAGATTTGAGGTAAGTTTTCCCAATTGTACAATAAAACAATTCGAGATAG
CGATGAAATAATAGCTTCTATGAACGTTGTATGAACATGTGCTTCTTCTAAGCCTGCCTAAAAAAGGAAATTA
AGTCTTCTCTTGTGTTGGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1130 NM_001060079|Oryza sativa Japonica Group Os04g0560200 (Os04g0560200)
mRNA, complete cds

TCTCAATCGTTCTTTCCCATTCCTCTCTCCATTTCTCTCACTCATGGCCACCCAACCGTAGCAAACGCCAGACTT
TCGCCCCAACTCCGCCACCGTCCCTGTCTCCGCAGGCCACGACCACGCGCCGTCTTCGTATATCCGCCTTTG
CCCTATCCGCCACAGCCCAGAATCGCCGCTGACGTTCTTCAAGCTCGTCGCTGCCGCGTAATGACTTCAGTTAG
AGGTCTTGAAAGTTGGGTAGTTACTATGATTCTCTAATTGGAACGACGTGGAATGCATTTTATGGAAATCAC
TAGCTAGAAGCCTAGAAAAGGAAACATAATCACTTCTTCACTACTCAAAATCTGGAAGCAGTAGTCGCCGTA
GCCAAAAGGAGATGGAGGACAAGGAGAAGAAGGGGCTAGAAGGCACTGGTTTCGTGTCTTCCAGTCAATCAC
CATGGCAACTGAAGAGTGCTTCTAGCGATCAAGATTTCAAGGATGTTCTTCTTCAAATCAAGTCCTCCAAAAC
CACTGCAGTTATCAATTATGGGGCATCTTGGTGTCTGTGTGCAGTCAGATTCTTCCAGCATTTTGTCTGATTGA
GTAACAATTTCCGAAAGTTTCTTTCATCTATGCAGACATTGATGAATGCCAGAAACAACCTCAACACATTCGT
TACACTCCGACATTTTATTTTACCCTGACGGTGAAAGAGTGGATGAGATGTTTGGTGTCTGGGGAGGAACGA
CTGCACGACAGGTTGTGGTTGCACTCTTAAAGACAAGATAGGTTGAGCACCATATTATTATCCCTAATTATTAG
GAAGGAATGCTATATAGCTACATTGCTAATGGCTTTGTTTTGGTATTTGATCTTCAAAGATTGAGCTTGTTTGT
GAATCTCATTTTCTTGATAAACATAATGGTTTGAGCTAGTTTTTCCCCTTTGAAGGCATGTATGTAGAACAGT
TACGGTTGTTGATGTTAGGTTTGTGTTGATTTGATTAAGTTGCTACATGCTCGTCATGTATCGACTCCTGATCA
AAGTCAAGTTTTTAAAGAAGCTGATACCTATATAGTAAATTTATAATGGGTACGTAATTTCTGCTTACATTTGTTA
TTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1131 NM_117020|Arabidopsis thaliana catalytic/ metal ion binding / phosphoglycerate
mutase (AT4G09520) mRNA, complete cds

AACCCCTTCAGAAGTCGGACGCTCTGCTCTCTGCGCCGTCTCAACTTACCACCGGCCGCGCTCTCTCTTCTT
CCCCGGCATTATTCAGGTATCGGTGTCTCCTGTTACTCAAGAAACCGATCTCTTACAGAATCACACCAACCAC
CAAGTGCATAATAAAGTGGTGATGGCGGAAAGTGCTTGTAACATTTTATAGACCGACCATATCACAATTTAC
AATTCGTTTTTCTTTGGGTTCAAATCAAACCTTCTTGCGAATTTAATTTATGATGGTTGTGCATACGCTCTAG
AGGAAGAAAGAAAGAGTTAACTCAAACACCAAGATTGGGCAACCATGGTTATTTCCAGCAGCCAAAGAAAA
GAGTGGCATTGTGCTTATCGATGGGTTGGGTGATGTCTCGATACCAAATTTGGATTCAAACCTCCTTTGCAA
GTGGACAAAGTTCCTAACTTGATGCAATTGCCTCTGCTGGTGTTAATGGTCTCATGGACCCTGTGCAAGTAG
GGTTGGGTTGAGGAAGTGACACAGCTCATCTTCTCTCTGGGATATGACCCTAGAGTATATTATAGAGGTAG
AGGTGCATTCGAGTCTATGGCAGCCGGATTGGCTATGTCACCTGCAGACATTGCACTTAACTCGAACTTTGCTA
CATTGGACGAGAAGACGGGAATAGTAAGCAACAGGAGGGCTGATACACACTTTGAGGAGGAAGGGCCAATA
TTATGTGCAGCACTTGACAGAATGAAGATACCAAGTTCCAGAGTATGAAGTTAGAGTCAGGTATGCCACAG
AGCATAGGTGTGGTGTGGTTGTGAAAGGACCAATTTGAGTGGAATATTTGCGGAACAGACCCTTTGAAGG
ACAACCGCTTACTTTTGAAGCAGAGGCTTTAGATGATTCTGAGGAAGCGAAGCTTACTGCAGCTGTTGTTAA
TGAGTTATCCAAGGAATATCGCGAATCCTAGTCTCTCATCCAATAAATGCAAAGCGTGCAGCAGAAGGGAAA

AACATAGCCAACCTTGTTCTTTTACGAGGTTGTGGTATTCGGATCGAGGTTCTCCATTTGAGAAGAAACATGG
TTTATGGCCATGCATGGTGGCACCCACTAAAATTATTGCTGGTC

>trans_s_1132 NM_179847|Arabidopsis thaliana ATGSL03 (GLUCAN SYNTHASE-LIKE 3); 1,3-beta-glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATGSL03) mRNA, complete cds

TCTCCGTTTCTATGTCCAATTTTCTGCCATTTTCTTCGGTGATTCTGCCACATTTCGCAGTCAGTCTCCTTCCTCC
GCCTTCTTGCTTGCGCTGTGTTTCTACTTCTCTCAAGCTCCTCTCTCGCTCCAACCATTTGATTTGGTGTTTA
GTACTGGATAAACATGGATCAAAGAAGGGGTTTCGGATCAACAACCGGGTAAGAAGATCATGGGAGCCCCAAA
CACTTGAGAATTTATCTGAGTCCATGATGGATAGTGAGGTGGTTCCTTCTTCACTTAATGAAATTGCGCCAATT
CTTCGTGTTGCTAACGAAGTCGAGGCAAGTAACCCGAGGGTTCCTTATCTATGTCGATTTTACGCATATGAAA
AGGCTCACAAGTTAGATCCACATCAAGCGGACGTGGAGTTTCGCAATTTAAACAGCACTTCTTCAGCGTTT
AGAGCGGGAAAATATAACAACATTAGCTGAAAGGCAAAAGAGTGATGCGCGTGAAATGCAGAGCTTTTATCA
ACATTACTACACAAAATATATAAAAGCCTTGAATGAGGCTGACAAAGCTGATCGTGCCCACTGCCTGAAGTT
TATAAACTGCTGCAATCCTTTTGAAGTTTGAAGGCTGTGAATCAAACAGAGGCTATAGATGTAGCTGACG
AGATTTTGGAAGCTCACCACAAGGTTGAGGAGAAACAACAGATGTCTCTTGACAATCAAAATTAGATAATTAC
GAGAGTTCTTGAGGAATCTTAGGTGAGAGAGAATAGTAGCTGAGCGATAAACGTTGGACGAGGAGACACG
CGACAACCTGGCAATAAGAGAAAAGATGTTAGGTGATCTATATTGCTAGGAGTAGAAAATGGTTGGCAGGAA
TGTCATGGAGCCAATGATGCTCAGAGGCTCGACCCGCATATCAAGTTTCCACGTATATTTCTTTTTATTTTGTA
TTTGTAATTTGAACATCATAGCCGAAAGGCCTAAAATTTATTTATGAACGCAATTCCTACTATTTTCGTTCTCT
CATTTCTTTATGTCTTCACTTTACTAGTTCTTTGTAACCATGATAAGACACAAGTTGTAATTAGTACTAGAGATG
CTTGTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1133 AB490000|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitERF1a mRNA for ethylene responsive transcription factor 1a, complete cds

ATTCACATTCTAATTTCTCTGTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAATTTTTATTAAATTTTGATTTT
TATTGAAATTAATGATGTACGGACAAATTAACGGTTTTGAATCCGATTTTGTTCTTCTTGAAACCATTCGCC
GTCATTTATTGGGAGATTCAGAGGCTTCCGATGTGGGAATTTCTCCCTTGCCGGAACCTCCCTGTTTTCT
GTCGGAGCTCAAGTTTCGGCAGCTTGACCTTGTTAACTGAAAATTGGGGCGATTTGCCTCTCAAAGAGGA
TAATTCCGAAGACATGCTCCTCGCCGGCGTCTCCGCGACGCCGTCAACGTCGGTTGGGTTCCGTCGCTTGAG
ACTTTCAATTTTGATTCTCTGATGTCAAGCCGGAGCCGGAGATTCTCTCTCCGGTGAACATCTTGCCCGAAGA
ACGGAGCTCGGGTTGGCTTGGGACGTTTGAGACGGCGGAGGATGCGGCGCTTGCTTATGACCGGGCTGCTTA
TCGGATGCGTGGCTCAAAGCTCTTCTTAACCTTTCACTTCGAGTTAATTCGGGTGAACCCGATCCGGTTAGAG
TGACGTCGAAGCGGTGTCACCTCGATCGTCACCGGAACCTACTTCGTCTTTGTCGTCGGTAGAGAGTGGGTC
ACCTAAGCGACGGAAGAAGGCGGAAGGCACCGCGGTGTCAACGCCGGAGTTGAATCAATTAGTGGTGGGGA
CCATTGGATTGCAAGTGGAAGCTGATGTGGCAAAATGTACAAGTGGCGAGTAATGATTGGGAGGACTAGTG
GAGATAGTGAAATTTAGAAAAAGGCAAGAAGGAGCACTTGAGATTATAAAAACCAAACTTTAAGACAAAA
TTTGTAATTTTGGAGGACATATTCTAGGGATAGGATTGGTAGAATTTCTTTGGATGTTCAAAATTTTGG
GCATTTTATTTTAAAAATTATAAAATTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAATTGGTAC
ATAATGGGGTGGTTGCATTTTGCTAAAGCAAATTTGTTTATTGTTTAGAAAAGTATATCTTTTGAATGGAATTT
TTATATTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1134 NM_112201|Arabidopsis thaliana FUS9 (FUSCA 9); protein binding / ubiquitin-protein ligase (FUS9) mRNA, complete cds

AAATCTAATGGTGGGAAATCGAGACCAACGGCCGCAATTGCCTCCGTTAGGTGGGGGAAGATCGTCTTCCTC
AATCTCCTTAGCTGCTCCAACCTTCATGGGCGTCCACGACCTCGGTCTCTGCTTCGGGCAAGAGAATTCAAAGA
GAAATGACTGAGTTTAACTTAGACCCGCTTCCGATTGCTCCGCTGGCCCTAAGGGCGACAATCTTTACCACTG
GTTGCTACCATCTTTGGCCCTTCAGGTACACCATATGAAGGTGGCATATTTTTCTGGACATAATTTTTCCAAG
TGATTATCCATTTAATCCTCCAAAGGTTGTATTTAAACCCGAATCTACCACTGCAATGTTGATTCCACTGGTAA
TGTAAGTTTGGACATTTTGAAGGATAACTGGAGTCCTGCGTTAACAATCGCAAAGGTGTTAATTGCAGTGAAA
TCAATTTTCGTAAATCCCAACCTTATGATCCAAATGCTCCTGGTGTTGCTCACTTGTACCTGGCAGACAGAGCT
AAACACGACGAGATAGCTGCTGAGTGGACGCTACGTTTCGCCAAATGAATGGAATCTCAAACCACTGATATAC
AATGGCATACTTCTTTTTGGTTATCATTTTCTGAAATTTGCTTCCAATTCTCCCCCTTCACTTGGTAATTTACCGT
GTGTTTTCGCAAGAAGTTACCAAGAACTGGAAAGCAAATTTGAGACGAGCACATGGAATAGAGTACAAC
CTCAAAGTTCTTGGATGCATGAGTGGATAGTATTAGATGATTTGTAGATTGTTCTATATGTATCAATGTTCTTTT
GGAGTGTTCAAGCCTTCAAGGTGCACTGAAATATATAGCCCTTCGGAATTTAGGTATCAATCGAAGGAAAAAC
GATGACTATCTATCTATCTATATATATATAAATAGTCCTTTGGAGATTATTCTGATGATTCAGACAGTAGCTG
TACACATGCACAAATCAACTTTGAATAGGGGTTGGTTTGATAATAAATTTGTTTTCACTCTNAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1135 XM_002882382|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AGCCTTCTTCAATTCATCGATTTTTTCATCAATGGCTACAAATTCCATTCTCAAATCCTCCATTTCCATCTCCCAT
TCGCTTCACAATTCTTTCACCGCCCTTCTTTCGCCAATTCATCCAAACCATCGAAAATTTCCACTCTCCGACCT
CTCTTCCGATCAGAATCACGCTCAATCACGTTCCCCGTTGTCAATTATCTAGAAGGCTGTTGTTCCCTTCCGTCT
CTGGAATTTGGACGCCTTAACAGGGGGAAACAACCCTCGTGACGCTGTTGCTGCTATTGACGTGGAATGCT
TCTCTTTAGGCAGGGCGATGTTTTGGAATCTTAGCTGAATTCGATAAGGCAATTGAATTGGATCCTCGTCAAA
AGGCATATCTTTGGCAAAGAGGGCTTTCACCTTACTACCTTGATAGATTGAAGAGGGAGCCGAACAGTTCCG
ACTAGATGTTGCACAAAATCCAAACGACACAGAGGAGTCTATTTGGTGCTTCTTTGTGAAGCTCAATTGTATG
GAGTTGATGAAGCAAGAAGGCGATTTCTCGAGGTAGGTAGAGATCCACGACCAGTCATGCGGGAAGCTTACA
ATATGTTTAAAAATGGTGGCCATCCGGAGAACTTGTTGCTGCTTTCTCAAGTGGCCGTGTGAATGAATATTTT
TATGCCTCTCTATATGCCGGGCTTATCATGAAGCAGAGAAAAAAGTAGATGCAGCCAAACAACATATAGTT
GCAGCTTGCCAGTCTACTTATGGACAGAGGTCTGATGATTACATGGCAGCTCTTGCCAAAGTTCACTGCCTCCG
TCGAAACTGGAGTTTCAGTCAGTAAATTCTAAGCTATATTCTACCGTTCCTTTCCCTTTCCCTTTCTTCTGT
GTACAATCTACCTTTTTAGATCGAGATTCAAATTCTAATTGATCTTTGGGGTCACTGAGATTGTTGACCAAAA
AAAGTTCTTGCTTGAAGCTTCTATTAGTAATATATTTACGTCAAGTTAGGTCCAAAGGAGAAGGAATTTAGT
GTTGATTTTAAAGGTTTTGGTGCAGCTTCAATTATTCCGAATATTAAAATACGGTAGAGAGTGATTTGAAT
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1136 NM_120170|Arabidopsis thaliana signal transducer (AT4G40050) mRNA, complete cds

AGGTCCAAACGTTTTATACCCTGGTGATATAATACCTTTTACACGTAGACCTGTTTTCTTGATAGTTGACAGTAA
CAACAGCCATGCATTCAAGGTACTACATGGGGCAGAGAGAGGAGAACTGCCGCCATACTTCTTTACCAATTG
AGGCCTGCATTCAAGAATCCCTTAAATGTTGATACTATTCAATCAGGAAGTCAGTTTACTTTTTCTTGACTGCA
CCTTACCGGCATTTTGCGAAATGGTTGGCCTGTCCTCGGCCAATTTGGATATAGATGTTTACAACGATGCCGA
TACCATCCTGTCCTCTGCATTTTCCGATTGGGAAATAATTCTTTGTACATCAACTAGCTTAAATATCGTTTGGGC
CCAAGTTTTGTCTGATCATTTTTACGCCGTCTCATTCTCAGATTTATATTCTGCCGAGCCGTGCTATCGTTCCTC
AACACTAAAGAAGACGACGACCTTCCTTTTGCCTGCCTGTCTTCCGACTCCGTCTTCAAATTCTGGAGTT

GTCAGCTCAGCAATTCGCCGTCTCGCAAAGCACCTTAACGTCACTGACTTATTTAACTTCCACGAAGTGTAATC
ACGGTCTTAGATATTGTGAATGCCGCTCACCCATCTGGATTCTGTGTTCAAAGTCTGCCTTCTCAAGGTCAGTCC
ACAATCAAACATAACACCATAACCATTGGTCTCTCGAGAGTCAAGTATAATCACAATTTACAGGTTGGTGTTN
GGTTTTGACCCTAAACTTATGAATCACTGGTAGTGTGATACGGTGGTCGGCATCTATTGGTTTCTTAAGTTTGA
AGGTGGGTTTAGTGTGTTAGTTAGCTGAGAGTGTGATAATTTATTGTAGGTTTCTTATTAAGCTTTTAAGATTCT
TTTTTTTTCTTTCTTTTGTCTATTACTGTAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAAGGGAAAAGATTTGGAA
TTGAAATTTATATGAAAAGAAACGAAACTCATCTCCCTCTCCCAAACCCGGCAAAATCAACATCTTTTCAATTTA
TCTGAAATGGTGGCACATCGGGATTGTAAATCGGTTTCTTTGTAGTAGAACTCTCTTTATACTAAAGTGA
CAAATCTTGAGGAGCTTTACTTTGTA

>trans_s_1137 AB018560|Citrullus lanatus mRNA for wrp15a, complete cds

ACTCAGCCGTTGAAGAACCAGAAGCCCTAATCCCATTCTGAAGTCTGCAACTTTCTGCTTCTGGCCTCCCTTCTC
TCTCGGTAATAATGGTGCCTGTGAGTGTCTGAATGATGCGCTTAAAAGCATGTATAATGCTGAGAAACGAG
GGAAGCGTCAGGTCATGATAAGACCGTCTTCTAAAGTTATCATCAAGTTTCTTCTCGTTATGCAGAAGCACGG
ATACATTGGGGAGTTTGAGTTCGTTGATGACCATAGATCAGGGAAAATTGTTGTTGAACTGAATGGGAGACTC
AACAAATGTGGTGTGATAAGTCCCCGTTTTGATGTGCGGTGTCAAGGAGATTGAAGGTTGGACTGCTAGGTTGC
TACCCTCTAGACAGTTTGGATTCATTGTGTTGACTACGTCTGCGGGAATCATGGATCACGAAGAGGCCAGAAG
AAAGAATGTTGGTGGTAAAGTGCTTGGTTTCTTTACTAAGTAATGTTATGAGATTGGTTTTACTTCTTTTGGT
ATTTTCGCACTTTTGAAGTTAGATGGGAAGAAGTAGAGAGTCTGTTTTGTTTTAGTTGCTGTTTTGGTTGGT
GGGAGGTTACAGGAGATTGCGCTGCATTCTTTTGAAGACTTTCATGAGCCAATTTTCTTAGTCTATGAGTTT
TATTTGTTTGCTATACTGAACTGGAATTGCCATAGTTATCAAGCTTTGGAATTCATTGCAATTTTTTCAGACAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCCCAAACTTTATGAAA
CCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCGGGCCCCATTCCCCCTAAAGGGGGTAAAATTAGGCGGGCCCCGGGG
CCGCCTTTTTAAACCTCGGGCGGGGAAAACCCCGGGGTTTCCCATTTTAATCCCTTTGCAAAACACCCCTT
TTCCCCCTGGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCTCCCCCTTTCCCAAATTTGCCACCCGAAAGGGAAA
AGGGAACCCCCCTGAAGCGCCCATTAACCGGGGGGGGGGGGG

>trans_s_1138 Y12793|Cucumis sativus mRNA for patatin-like protein, partial

TGGGGTTGGCGGGATTGATTAAGTTTTTGGGGGCCGGGGGGGCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCCA
CTCAACAATATAGAATCGATTAAACTAGAAGCGATGAAATATAAAATACATTTCTTGAATAGTCAGAAAATA
AAAACAATAACATGGTGTAAAAAAATATTATAAATAGTTTTACAATTTATTGGACTGAAGTATGAAATGCTTA
AAAGAAGTGACGCTTCAATCCATGGAAGACAGAAAAAAGGGCATAAATTGATGAAATGGGTATTAGATAGC
CTCAAGGGCTCAATCGCAGTTTCTCTCATCAGACAACATTTGAGCAAAGTCTGCAAGTGCTTTTTATTAGTTT
CTTCTCCATCAAGTGGCTCAAAGTTTCCAGATTCCAAATTTACCTTGACAATGGTTTCTTCAATAAATTCTCTCC
AAGTTCAATGAGCTTTAATAAATTTTGTGTTGTTGCAATATCCACTGACGAAACATCACCACTCAATGTGTCAT
CCTGAATACGAAGATAATTTTTTTGATTATGTTTCAGACTGGAAGATGCTAGAAATATGATAATCCACCATATCA
GCACTTGCATCACTAAAAATATCAACAATTGGTGTGCTCCTCTATGATAGATCCAACCAAGCATGCCCCATTT
GGAAGCTATAGCTGCACTATACTTCTCATCATTTTTAGCCACACCAGTTCTTAAAGAAAGGATCAACATCCTTTT
TGCTTCATGGGTTTTATTTTCAAAGTTCACTTCTGTTTCTCAAGATGCTCATCTCTTTGTACATGAGTCAAT
GCAGCCAATGTCTAAACAATCGACCATACAATACACATATATATTAGTTAGACATTCACCAAAACGAGTCTTA
AAATCACCAATAATTCAATCCAAAAGCTTAACTTGAGTAACTACAAATTTAACAAAATATATAATGTGGGAA
ATTAGGTGCGATTTACTGGATTATTTGCAGCGACTCCACCATCAACCATATCGAAGTTACGAGTATTTCCCTTA

GAGTCCTTAGTTTGAAATTCATGACCAGGTAAGAAAGTGGGAGCGGCGGAGGTACTGATACAAACATCAGCC
AGTTTTGGATTCTTTAACGCATCCCATTTA

>trans_s_1139 DQ402075|Gossypium hirsutum aquaporin 1 (AQP1) mRNA, complete cds

CTACATTCTTCCCCAAAAGCAAAAGCAAAAAAACCATTAAACAGGAGAGAGAAATCTCATTTTAGAGTGAGA
AAAAGCCTCCATTGTTACATTTTCTAAGTAAAACTCAGCAAAGAAGGAAATGGAGGGGAAAGAAGAGGACGT
TAAGCTAGGAGCAAACAAGTTTTAGAAAGGCAGCCAATTGGCACATCGGCGCAGACGGACAAGGACTACAA
AGAGCCACCGCCGGCGCCATTGTACGAGCCGGGCGAGCTGACGTCATGGTCGTTTTACAGAGCCGGAATCGC
GGAGTTTATGGCCACTTCTTGTTCTCTACATCACCATCTTGACGGTGATGGGAGTCAGCCGATCTCCGTCCA
AATGCAACACCGTCGGCATTAGGGCATTGCTTGGGCCTTCGGCGGCATGATCTTCGCCCTCGTCTACTGCAC
CGCCGGCATCTCCGGTGGGCACATTAACCCGGCGGTGACCTTCGGGCTTTTCTGGCCAGAAAAGTGTCCCTC
ACAAGAGCATTATTCTACATCATAATGCAATGCCTCGGCGCCATCTGCGGCGCCGGCGTGTTCAAGGGCTTCG
AGGGGTCCACCTACGTGCAGAAGCTGGGTGGTGCCAACCTTCGTGGCCTCTGGCTACACCAAGGGCAGCGGTC
TGGGTGCTGAGATCGTCGGTACCTTCGTTCTCGTCTACACCGTCTTCTCCGCCACCGATGCTAAGAGAAATGCC
AGAGATTCTCACGTCCCTATTTTGGCTCCTCTTCCATTGGGTTTGCAGTGTTTTTGGTTCAATTTGGCCACCATT
CCATCACCGGAACCGGCATTAATCCGGCCAGGAGTCTCGGAGCTGCAATCATCTACAACAGGCAACACGCTTG
GGATGACCATTGGATCTTCTGGGTGGGACCTTTCATCGGAGCTGCTTGGCTGCTATTTACCACCAAATCATCA
TCAGAGCCATTCCATTCAAGGCCAGAGCTTGAAGATCAGAAGAACAGTTTCAAATTCTTAATATCATTATTAT
CATTTCTAAGAGGTCATCTTTGGAATATATCAACTCTTTTTTTCATTTCTTCTCTAATATGTGTGTTCTTCTTA
TCTCTTTTTTTGGATGTGAAAACCTTCTTTATTTTGGTG

>trans_s_1140 NM_118959|Arabidopsis thaliana ULT1 (ULTRAPETALA1); DNA binding (ULT1)
mRNA, complete cds

ATTCCTCTTCAGTGTGTGTCTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTCTAATGTCATATCATATCATGCAAG
AAGGGCATAACAATAACCCCTCTCGCACACGTCATTGCCTTCCCTTATACCCAGGTCTCATTTCTTCATTCAA
TTCATCCATCCCTCCAACCTCAAAAACCAACCCTTTAATTTCTCTCTTTCTCCATCCATGCCTTCTCAAGATCTA
TCTCTACCTTTCAATATGACCGCCTATCCAGATTCTTCTATTTTCCATAAATAAAAAAACCCACCAACCCCA
TATCTTTTTTTACCTGAATTTTTCTGGGTTCTCTACGCTTTTCTTCGATTTCTCCCCATTCCGTTTCTGGGTTCAA
TCTAGATTTCTGATTTACAGAGTTAATCGGACATTTCGAGTGGGAGATGGCTAGTGGGGTGGATGAAAATGGG
TTGGTCTTGTTTTCTAGCGAAGAGTTGAGTGAGATGAGTGGGGTTAAGTTCCGTGGAGATTTTGTGGAAGTCA
CTTGTGGCTGTACTAGTCATCGATATGGCGATTCTGTTGGAAGGTTGAGGATTTTGTTAATGGTGAACCTGA
AATCACCTGTGAATGCACTCCCGGTTGTCATGAAGACAAGATGACTCCTGCTGCATTTGAAAAGCACTCCGGA
AGAGAAACAGCAAGAAAATGGAAGAACAATGTTTGGGTCATAGTTGATGGAGATAAGGTTCCGTTGTACAAG
ACTGTTCTTCTCAAATACTACAATCAGGCACTAAAAACAGCAATGGATCCAGTAGATCCCAAAACGGGCGAG
CGTGTCACCGTGATGAGTTTGTCGATGTAGCAGTTGTAACAAGGAACGCAGATTTGACTTAGGACAAAAGA
GGAATGCCGAATTCACCATGATGCTTGGCAGATAGTGATTGGAGTTGTGCTGATCTACCATATGACAAAATA
ACATGCGACACTGATGAAGAACGAGCGAGCCGGAGGGTTTATAGGGGATGCATCCGATCACCACATGCAAG
GGATGCACTTCCTGTGTCTGCTTCGGCTGTGATATATGTCGATTTTCAGATTGCAGCTGCCAGACCTGCATTGA
CTTTCACAGGAACGCAAAAGCTTGATTGAATCT

>trans_s_1141 AB271851|Cucumis melo CmEGase1 mRNA for endoglucanase, complete cds

CAGTGCAGGTAATGCAGAAGCTGCAATCTTCTACAATTCAACAAGTTATTGGGATGAGTTTGTGTGGGGTGGA
GCTTGGTTGTATTATGCTACTGGAAATTCTAGTTATCTTCAACTTCTACCACTCCTGGCATTGCCAAACATGCG
GGTGCTTCTGGGGTGGACCTGATTATGGAGTGTTGAGCTGGGACAACAAGCTTGCCGGGGCTCAGGTTCTT

CTAAGTCGTTTGCGACTTTTCTTGAGCCCTGGATATCCATATGAGGAAATCTTGAGGACTTTCCACAATCAAAC
GAGCATAGTCATGTGTTCTACCTGCCATTTTTACAAAAATTTAATCGTACTAGAGGAGGCCTAATTCAGCTAA
ACCATGGAAGGCCACAACCTCTTCAGTACATCGTCAATGCAGCCTTTTAGCTACCCTTTACAGTGATTACTTG
GAAGCGGCAGATACACCTGGTTGGTACTGTGGACCCAATTTCTATTCAACTGAGGTTTTGCGTGACTTTGCCA
AGACCCAGATTGATTATATCCTGGGAAAAAACCCCGTAAGATGAGCTACGTTGTTGGTTTTGGCAATCATTAT
CCAAAACACGTGCATCATAGAGGTGCATCAATCCCAAAGAATAAGATCAAATATAACTGCAAAGGAGGATGG
AAATGGAGGGGACACAACAAAGCCTAACCCAAATACACTTGTGGTGCCATGGTTGCTGGTCCGGACAGACGT
GACGGGTTTCACGACGTTTCGCACCAATTATACTACACTGAGCCAACTCTAGCTGGAAATGCAGGCTTGGTTG
CCGCACTCGTTGCACTGTCTGGTGAAAATAGTGAAAAGGCAACTGGAATTGACAAGAACACCATATTCTCTGC
TGTGCCTCCCATGTTTCCAACCTCCACCACCTCCAGCCCCTTGGAACCTTGATCATATATGACTCATTCTTCT
GGAAGCATGTCACGTAAGTTGCAGAAAATGCTGTTGGTTGTGGTTGGATTTTGATACTGTCTGTGAGGTGAAA
CTGAGGACTTTAGTGCAAGAATGTAAAACAATATTTCTTGGCAGAGAAACCACAAGCCAAATGATTGAGATAA
ACTATAAGGATTTTGGCTTTAGGGAGGAGATGGGTGTTTT

>trans_s_1142 NM_124726|Arabidopsis thaliana ACBP1 (ACYL-COA BINDING PROTEIN 1); acyl-CoA
binding / lead ion binding (ACBP1) mRNA, complete cds

AAGCCAATTGAAACCGATGTCGGGTCGGGTCTGGAGATTTTGGGTTTCGCGCACGAGGTTGACTCTGTCGTC
GCCGAGCATGGCAGTGTTAGGAATGACAGTATTGGTGGGAGTGATACTGATGATGATTGGGAAGGGGT
GGAGAGCACCGAATTGGACGAATTGTCAGCGCGGCCACTGCTTTTGTGCGCCTCTGCAGCTGACCGGCTT
TCACCCAAGGTATCCAATGAAGTACAGTTGCAGCTTTACGGATACTACAAAATCGCTACCGAGGGGCTTGA
GCACGCCTCAGCCGTCTGCCTTGAAAATGACCGCTCGAGCTAAGTGGCAAGCGTGGCAGAAATTGGGTGCTA
TGCTCTCTGAAGAAGCGATGCAAAAGTACATTGATATAGTTACTGAGTTGTTTCCATCTTGGGTGGCTGGTGC
AAGTGGGAAGAGCAAGATGGAAATGCTGATGCTAGAAGTAAAGATTCTAGAGGACCAATGGGGCCCGTCTT
CAGCACTTTTGTATATGAGGAAACCGGGAATGAGTTGGAGCTGGAAGATATTCATGGCTTGTCTAGAGAAGG
AGAATTGGAAAATTTGCTCAAGTGTATAGAAAATGGTGTTCAGTGAATATCAAGGACAGTGAAGGCAGGAC
CCCATTGCACTGGGCAGTCGATCGTGGCCATTCTAATGTTGTGGAGCTGCTTGTTAGCAGGAATGCTGATATT
GATGTTAAGGACGTTGATGGCCAACTCCATTACATTATGCTGTGGTATGCGACCGAGAAGGGATTGCCGAAT
ATCTTGTAAGAACAATGCTAGCGTTAGTGAAAGAGACAACGATGGAAAGTCACCTTGTGATATTTGCGAGTC
TAACTGGCCTTTTATGGTCTCTGCAAAGAAGTAGAAATTGGCAGATGATTTTATCATGTTCCGGTGTGCCTTTCT
CCTTCTATCTTCTTAATTGATTATTTACATGTTCTTTTGAATGTAAATACTCCCATGCATGGCCTTTTCTAAC
AGCAACAACCTTCTATTATAAATAGATTGGAGTATTTATCANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGACACCTCAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1143 AB059484|Cucurbita maxima Puf mRNA for glutathione S-transferase, complete
cds

ACCTCTCCTTTATTTTTTATATAATTCATCGTTTCTTTCCACAAACCCATCTCCAATTCTCCCCGATCTTCTCTATT
TTCAAATTTTCATCGTTGAGTTTTTTTTCTTTGTACTATCAATGGCTGGTGCTATCAAGGTTTCATGGAATCCCCAC
TTCCACAGCCACTGGTAGGGTTCTTGCTGCCCTTTACGAGAAGGGTCTTCAATTCGAGCTTGTGAATGTCAAAT
TACACGAAGGAGAACACAAGCGAGAGCCCTTTCTCTCGTTGAATCCCTTTGGTCAAGTTCTGCAATCCAAGAT
GGAGATCTGAATCTTTTTGAATCAAGAGCGATCACACAATACATCTCTGAAAATTACGCCAGTAATGGAACCC
AGTTGATTCTCAAGATCCCAAGAAAGCAGCTGTTGTATTAACATGGATTGAAGTAGAGAGCCACCATTTTGA
CCCAGTAGCCATGAACTAGTGTTGAGCTTTGCTTAAACAGTTTTTGGGTGGGGTGATGCCGATCCTGCA
GTTGTTGCGCAAAGCGAAACTGAATTAGGCAAAGTTCTTGACATCTATGAGAAAAGACTGTCTGAATCCAAAT
ACTTAGGAGGTGAGTCCTTCAGTTTGGCTGATCTACACCATCTCCCTGTTTTGGGCTACCTGTTGGCCACACAA

TCCAAGAACTGTTTGAATCTCGACCCCATGTCAATGCTTGGGTAGCTGATATCATAGCCAGGCCATCCTGGG
CTAAAGTTCTTGAAGTTGCAAGTAAATTGAGTCTTAGACGACTTTGGATCTAAGTCCTTCACTTGATGTGTGT
GTTTCAATCATATCATATAAACTTGAATAAAAGGCTGTGTAGTAGGTAGTCTTCTCCATGTATTGGAGATTAC
TGTCTTTTCTTCTTCTCATCTTTGGTTTTAGAGTATCTTGTATTAAGACTGGTTCTTCTGGATTTGATTTTATGA
ATATGAATTAGATCTCTGTGATCAATCTTCAGAAGAATTGTGTTTGTGTCTGTGCGTGTGTGTTTTAGTACATA
TGAATATTGATAGGAACACTTTGAATGAGTTGCTAGAACTTTTGAGAAAGTTCACTACAGATTGACGGAAGAA
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1144 AY004240|Glycine max phosphoglycerate mutase-like protein (PGM) mRNA,
complete cds

ATTGATGTGGATTTCTTTTTCTTCAGAGCTTCTTTGTTATTTCTCGTCGTCTAGATCGATTCTGATTTTGATTTTT
GAAGTATATATGGACTCTGCAGGAGGTCTGAGTTTGTACCCGTCGCACCGTTGTAAGACTATTCACCTGGTGA
GGCACGCGCAGGGAAGTCAATGTTGCAATGGAAAAGGATCGCAGTTTGCTTCAATCTTATGATTATTTTGA
TGCTCAACTTTCCCTTTAGGATGGCAACAGGTTGACAATTTGCGGAAGCATGTGCGTTCATGTGGAATTCG
AAGACAATCGAATTAGTCATCGTCTCCCCGTTGTTAAGGACAATGCAAACAGCAGTTGGAACCTTTGGTGGTG
ATGAGTACAAAGATGGTATAAATGCTCCTCCATTAATGGTAGCAAACGTTGGGGGAGCAACCATCCTGCAAT
TTCAAGCCTTCACTGTCCACCATTTTTGGCAGTAGAGCTTTGCAGAGAACGTTTGGGTGTTTCCATGTGATA
AGAGGAGAAGCATTAGCGAGTATCGGACTCTTTCCCTGCAATTGATTTTTCCATGATTGAAAATGATAATGAT
GTCATGTGGACACTAGACAACAGAGAGACAAATGACCAGATTGCAGCAAGGGGACTGAAGTTTCTGAATTGG
CTGTGGACTCGGAAGGAGAAAAGAGATTGCAATCGTCACCCACAGTGCGTTCCTATTTGAGCTTATGAAATGCT
TTGGAAATGACTGCCATCCATCTATAAAGAGCGAAATCTGCAAATATTTACAACTGTGAGCTTCGATCCATG
GGTATTGGTCAAAAGAGTATGACAGGTTGAGATATCTCAAGGACTAATTACCCTGGCAAAATTCCTCGAGGCC
TCGATCTTCCAGTGACGTTGCCACAGAGAAGCAACCATAGAGAGGAATTACAAATGGTGTTGAAGCTTGAA
GGAGATGAAGCTTGTGAACGCAAGGAATGTGGTATTTTTGATATTCTTAATTCAATTATATCATTTTCATTTTT
GGAGGCTTTTTTACTTCAAAATTCAGTTAGGCATTATTTAGGCCATGGCTTCTTGTCTCCATGACACATGTTTC
TGTCCATATTTTCATTAGTTGTGGGGTATATGTACTC

>trans_s_1145 NM_112833|Arabidopsis thaliana reticulon family protein (RTNLB11) (AT3G19460)
mRNA, complete cds

AATTTTTGTTGAAATTTTTGGCTGCTAGTATTCTCCGTTTGCTCCCCTCACTTCTTCAACCTTCATCCTTTCTCTCT
GGCTTTCAATTCCCTCTATTTCTCTTTTTCTCTCAAACCCTAATCACATTTCCATGGTAGGATCTAATTCTTCTCGT
CGCACTTCTGTTTCAAGCCCTTGGCGATGGTCACGTGGCTGATGTGCTGTTATGGAAGAAATGGTGTGGTG
GGGTTGTGATGCTAACGTCTGCAACTGCTTTGTGGTACCTGTTTGAAAGAGCCGTTACAACCTTCTATCTTTT
GTTGCCAATGTTCTATTGCTTCTTGTATCATTTCTTTTTCTCTGGGCCAAATCTGCTTCCCTTCTCAATAGACCTC
TACCTCCGCTTCTGATCTGGAAATTTCTGAGGAATCTGTTTCAATGGTTGCTAATGAACTGCGATTTTGGATC
AATTTTGCATTTCTATAGCACGTGATATTGCAATAGGCAGAAACCTTAAGCTCTTCTTCAAGTTGCTCTTGCA
CTATGGATTGTGTCATTCATTGGCAGTTTCTTCAATTTTCTTACACTGGTCTATATTGGGGTCTTCTCAGTCTTT
CAGCTCCTATAGTGTATGATAAATACCAAGATCACATCGATGAAAAGTTGTGTGTAAACATAGATATGCTCA
GATGCAATACAGGAAGCTTGATGAGAATGTTTTAAGGAAGATACCATTACCCTTAAATAAGGAGAAGAAGAT
CCAATAGGCATGGTACCTCGTTTTATGATTGGTAGCCAAAAGAATATGAAGAGGCACATTGGCTGGCTTTCAA
AAGGATGATGAGTAGATCTGAAGGTTTTGATCAGAGGCATTAAGATTGCTTTTATAAGCGATGTACTTCAGAA
TTCTAGATCTTTTAGAAAGCTGTGGTATATAGTTTAACAGAAATGTATTCTGACTTCATCTTTGGGGTGAAAAC
TGAAATCAATAGTGTTTGATTTTGGATTGAATAGTGTCTGGTTATCCTGGTTTCCCACTCTGGGTTTGAATTT

TTTTTTTTTTTTGGCAATTATCCTTGTTATTTGAACTAAATGACAATAAAATTTTCATAGATTAGAACCTTTCTCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1146 NM_128811|Arabidopsis thaliana diene lactone hydrolase family protein
(AT2G32520) mRNA, complete cds

TTATCGTTTTGACTTGATAGAAACAGGGGTCCTCCGTTCTCGTATGGTATAAGGCGCTGGGAAATGTTATTTT
CAATCATAAGGTCTTCGATTTCTTCAGGGTCACTTCTCAAAACCCCATCAATCATCTCTACTCCTTACAAGCTAA
GCTCCTCACTTTCTCGCTTCTCAGTCCGCTCCATGGCTTCTTCTCCCTTTCAAGAAAATCCAAATTCAGAGAG
ATGGCACTGAATTTGATGCTTATGTTGTGGGGAGAGATGATGCCCTGCCATTGTTGTGCTTCAAGAATGGTG
GGGAGTGGATTATGAAATCAAGAATCATGCTGTGAAAATATCTGGGCTTGGATCTGGTTTCAAGGCACTTATT
CCAGATTTGTATCGAGGAAAGGTGCGGTTAGATGCTGCTGAAGCACAGCATCTGATGGATGGTCTCGACTGG
CAAGGTGCTGTTAAGGATATCCATGCTTCAGTTAACTGGCTCAAGGCTAATGGCTCTAAGAAGGTTGGTGTA
CTGGATACTGTATGGGGGGTGCACCTTTCAATTGCAAGTTCTGTTTTGATTCTGATGTTGATGCTGTTGTTTCA
TCTACGGAGTTCTTCATCAGAGCTTGCAGATCCTGCCAAGCTAAGGCACCCATTCAAGGCTCATTTGCGAGA
GCTTGATTCTTTGTTGGCTTCTCTGATTTGACGGCTGCCAAGAACTAGAGGAAAAGCTGAAAGAATCAGGA
ATTCCATATGAGGTGCATATATATAAAGGAAGTGGACATGCTTTCATGAACCGATCCGAAGAAGGTGTGAAG
AGGAGGAAGAACATGGGAATGAATGACGAGGACGATAATGCAGTCGAACTGCTTGGTCTCGATTGCAATCC
TGGATGTCAAAATACCTCTCAGCTTGAAGTGGTTTGATTTTCATTCCAAATCCCCCTTTCGTCTTAATTAAC
CTAGTTTATGGCCCATCACATAAGCTTGTGTTGCACTTCTGGGCAGTGATTGTGAAAGTGGAAGGTAACCTTGT
TTGTGTTGCGCTCTAAAGCATATGCTTGTGAAAAGTATATGAATAATATGGTCTGACGTTTGAAATTTAACT
GCGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1147 NM_115074|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein
(AT3G52150) mRNA, complete cds

TCAGGGTCTGTGCTTTCTTCACTCTTTCTCTCGACTCGAGCTCTGCACACCAAAATGGCTTCCATCTCATCC
ATACTAACCCTACCAATCTCATTACACCCCCAAAAACCCACCGAAATTCACAAGCTTTATCCTCTCAATTT
CTCCGGCCAATCTCTTTACCCCTCTCATATCTTCTCCGCATCTCTCCGTCGCCGACACCCACGAGA
CTCTTCGCCGTTGCAGAAGCCGCGACGCAGGGTGCCAGTTCGGTGGCGGAAAGGAAATTGTACATTGGGAAC
ATACCTAGAAATGTGAATAATGAGGAGCTTACTCGGATTGTCCAAGAACATGGGGCTGTGGAGAAGGCTGAA
GTCATGTATGACAAATACCCTGGGAGAAGTCGCAGATTTGCCTTTGTTACTATGAAAACAGTTGAAGACGCAA
ATGCAGCAATTGAGAACTGAATGAGACAGAAGTCGGAGGACGAAAAATTAAGTTAACATAACAAAAAA
CCTGTGGTTAATACAGTTGACCTGTCAATTCTCAGGCAGAGGAATCTCAATTCATTGACAGTCCTTACAAAGT
ATATGTAGGAAACATTTGAGTACAGTTTCTACCGAAACACTCAAAAATCTTCTCTGAGAAGGGTAAAGTTC
TCAGTGCAAAGTTTCACGGGTTCCAGGTACCTCGAAATCAAGTGGCCACGGTTTTGTTAACTTCTCTTCAGAG
GAGGAAGTCGAAGCTGCCATTTATCTTTTAAACAATGCTTTGTTGGAAGGCCAACCAATCCGTGTAAACAAGG
CATAAATTTGTAGGGTCTATATAACAAAATGTTTGGAAGTTTCACTTTTGCTCTTGGTATGAAATTGATGAA
CAGCAGAGGGCAGCTTTTTCACACAATTTCTCTAAAATTTCTGTATTCATATCATTTAATGTATAATCTTGTTTAT
TTTTCTGTTTAAGCATCAAGTCTAACTTAATTAGACTTAAAAATGCTAATCTTTGATTGCATTTCAAATATTCA
GAAAATCATAAGTAATCATTCATTTATAACATATGATATAACCGGGTATTAAGTGAAATAGGAAATTTGGGAT
ATTTTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1148 XM_002309995|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

GTTTGGAAAAGCCAAACGGAGGTGAAGTTCTGCTTGGGGAGCACAACGTGTTGCCTAATTATTTTGAACAA
ATCAGGCTGAGGCACTTGATTTGGAAAAGACAGTGCTTGAGACAGTGGAGGAAGTTGCGGAGGACTGGAGA

ATTGATGATATAAAAAGGTCTCCTCGGACGTTGTAATTTTAAACTGAGATGCTTGATAGGAAGGTTTCGTTATT
GAGTGGAGGGGAGAAGGCACGCCTTGCACTTTGTAAATTCATGGTAAAACCATCAACGTTGCTGGTATTGGA
TGAACCGACAAATCACTTGATATACCTTCAAAAGAGATGCTCGAGGAGGCAATAACTGAATACAGTGGCACT
GTCATCACTGTTTCTCATGATCGTTACTTTATAAAGCAAATTGTAAATAGAGTCATTGAAGTTAAAGACGGAAA
TTTACAGGATTACGCGGGTGACTACAATTATTATCTGGAAAAGAATCTGGACGCCAGGGAAAAGAGAGCTAGA
ACGTGAAGCAGAGCTTGAAGAAAAAGCTCCTAAGCTTAAAGCCAAATCCAAGATGTCTAAGGCCGAGAAGGA
AGCACGAAAGAAACAGAAGATGCAAGCGTTTCAGCAAGCGAAAGCGAAAGCTAAATCAAAGGACTAAAGA
ATGCGAAGAGATGGAATTGAATGAGACATATTTTTTTTAAAAAAGCTCTCATCAAGAACGTTATTTGTTGAA
ACTAATGATACTGATAGAAATTAGAAAGCCTAGGAGGAGTAGCACACTGTGAGCCAGATTCTCACCTTTGTC
TATAATGTATAAATAGAATCATAAGCTCTTTATTTGGATTTCTGTAATGGAAAATCTTATCCTGTGTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATACCAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCC
CCCCCCCCAAAAAATATTTAGCCGCCCTCCCCGGGGGGGGGGGCGCGGTACCATTGCCCCGAAGGGGGGAA
AATATTGGCGCCCCCTAGGCGGTTGTTTTAAAAACTGCCGGGAAAAAACCGG

>trans_s_1149 NM_105319|Arabidopsis thaliana PMI2 (plastid movement impaired 2) (PMI2)
mRNA, complete cds

AAAAATTAAAAATTATTGGGCTAAAAGGGAAACAAACCTCAAATTCGAGAGAAGAAACCACGGAAATGGGG
AATACCATCGGAGGGAGAAAGAGAGTAAAGGTAATGAAAGTGGACGGAGAGATTCTGAAATTCAAATTACC
GATTAGAGTTTCTGAAGTTTGAAGGATTATCCCGATCATGTTCTTATGGAATCGGAGGCCGTTAAGCATTAC
GGCGTTAAGCCAAGCCATTGGAGCCGCAACAGGATTTAAACAAGAAGAAGATTTATTTCTTTACAGTTGC
CCAAAATCGCCGCCGATAATCGTGCCCCCCCCGATCGGATTCCGAGAAGAGTCCGTTCTCCGGCGTCCATAT
GTCCGCCAAGGACCGTCTCGACCTTCTCATGCTCTCCGCGGACTATGTCCGAGATTGCTATTACTAGGCCTT
CTTCAACGGCGGCCACGGTGGACTCCTCTGCTCAGCCGCGCTTCCATGGCGGCCCGATGCAGGTTAAGATGAA
GATTCCGAGATCGCAGGTGCGGAAATTGATGGAGGAGAGTGCGAGTGAAGGAGAAATCGCTGAAAAGATTA
TTAATATGTATTTGAAGAACGAGGTCAATACTGGCGGCGGTAGTGCCGGTGATGTTAACGCCGTCAACAGG
CGGAGCATTGGAACCGAGCCTTGTTAATAGCGTTCGGGAAAATTCAAAGGTTTCATCGCGAGAAACGAGTGA
GTTTCTTACCAATGGATAAAGGAGAAATTCATTTAGCTGTAGCAAACAGTCAACAGTAGACACAAGTTTGAA
TTGAGAAAGGAGGAAGAAGGCGAAGGAAACAAGACGTTGAATATTATGTGGTTTTTGAGAGCATATCCATCC
ATGATCTCTTCTCAATGGCTTAATTTTATAGCTCTTAAATATATAAATCTTCCCATATATATGAGGAAAAGTT
GTACTTAAATCAGGTCATAACTTTCATACAAAAAGTAGAAGATCACGAGAGATATATTCAAAGCCCAGCCCTA
ATTCAAATGCTATATATATGGCAGAGAGATGTTAAGGTTTTGGGTGAGAATTAGTGATTAGAATAGAGATGT
TAATTACATTATTATATATATAGATTTGTACATGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1150 AY105430|Zea mays PCO119892 mRNA sequence

AAGATCAGGTCTGAAGAAAGTTATGGTTGCGCCTAGCCCTTCTCTAGGAAGCTCTGTTTTGTTTAGATTTTCCT
TTTTAAGCTTTTTTTTTTTTTGATTTTTTTTCTTTCTTTTTGAAAGTGTTGATCTTCTGTAATTTGGGGTT
TAGATTTTTGATATCATCAGAGCCATTTAGAGGGTTAGGAGGTGTTAAAGTGTTAGCTTTGTTGTTAGCCTCT
ATCACCTGTGTTATATACCGCCATTTCTCCCTCCAATTTTCTTCCATCACAATTTCAACACAGCTTACCTTTTCAT
TTTAACTGATCGCCGTCTTTCTTTACAGTTGGGTGTTGATTTCTCTGGATTTCCGGCTTTAGGGTTTTCA
TTTCTTATTTCTTCTTCAATTACCTTTAAACCAATCATCAATAAAACACAACAAATCTATAGTTTATTCT
AGGTTTTAGGTTTTATACAACTCTAGTTTAGTTTATTTTTTTGTCTGACATGGATAAGAAGAGAGTGGCTATT
CCTCTCGTTTGCCATGGCCATTCTCGACCGTTGTGGATCTATTTTATAGCCCTGTTACGCCCGATGGATTCTC
CTCATCAGTGCCAGCAAGGATTCCAATCCCATGCTTAGAAATGGTGAAACTGGCGATTGGATTGGTACATTTG

AAGGTCACAAAGGCGCAGTTTGGAGTTGTTGTCTGGATACCAATGCTTTACGTGCTGCTACTGGTTCTGCTGA
TTTTTCAGCGAAAGTATGGGATGCATTAAGTGGAGATGTACTGCACTCATTTGAGCACAAGCATATTGTTCTGTG
CCTGTTCTTTCTCGGAGGATACACACCTTTTATTGACTGGTGGTCTAGAGAAAGTACTACGAATATATGATTTG
AATCGTCCCGATGCACCTCCAAGAGAAGTGGATAAATCCCCGGTTCAGTTAGAACTGTTACATGGCTTCATA
GTGATCAGACCATACTAAGTTCTTGCACTGACATGGGAGGGGTCAGGTTATGGGATGTGAGAAGTGGCCAAA
TAGTTCAAACACTTGAAACCAAGTCATCAGTGACCAGTGCAGAAAGTTAGTCAGGATGGACGATATATCACAAC
TGCTGATGGGTCGACTGTCAACG

>trans_s_1151 X79332|S.tuberosum (Desiree) FeS1 mRNA for Rieske iron-sulfur protein

TTTTTGGAATTTCTAAACCAGTTTTGAGGTTAAAAACACGAGTTTTGCACCCACTGCGTATCTTCTCCGAGT
TTTCGTTATCCCTCCAAAATCCAAAACCTGAAGTTTGACGAAGATGTTGAGGATTGCAGCTCGAAGGCTCTCGT
CACTCTCTTCTTCGATTTTCAGGCCACCATCGCTTCTTCTTTGCCCGTTCTCACAACATCATTGATTCCGCTGA
TTCCAATGATTTTCAGATCCGCTGGATTCTTCAACACTTTTCCCATCCGACCTCACTTTGATCGCAACTCTAGAGG
TTTTGCTTCTGATGCATTGGCCTCAACCAAGGATGATGGCTTAATTATGGATATTCCTGCAACTGTAGCTGCCG
TTAAGAACCCTTCTTCAAAGATAGTCTATGACGATTACAATCATGAGCGATTTCTCCTGGCGATCCCAGCAAG
CGTGCAATTTGCTATTTTGTATTATCAGGTGGTCGGTTTGCTACGCTTCTTTGATTGCTTCTTGTCTCAAGT
TTGTCTCAGCATGTCAGCCAGTAAGGATGTTCTTGCTCTGGCCTCACTTGAGGTTGACCTTTCAAGCATCGAA
CCTGGTTCTACCGTGACAGTTAAGTGGCGTGAAAGCCAGTATTCATCAGGCGGCGAACTGAAGATGATATT
AAGTTAGCAAATAGTGTGGATATTGGATCTCTTCGTGACCCTCAGCAGGATGAAGAGAGAGTTAAAGATCCA
GAATGGCTTGTGTAGTTGGCGTCTGCACACATCTTGCTGCATTCCCTGCCAAATGCTGGTGACTACGGTG
GGTGGATTTGTCCATGTCATGGTTCTCATTACGACGTCTCTGGCAGAATCCGTAAAGGGCCAGCACCTACAA
TTTGGAGGTACCTACCTACAGCTTTTTGGAAGGGAACAAGCTTTTGATCGGTTAAGAAACCAATCTCTACTTTT
TGAAGTAATACCGAGGTTCAAGCCCCTCAATTTTTATTTAAAGCAGATAAAAGTTGGAAGACATATTTTCTTTC
TTTTTACTCCTTTGAGATTTTAGAAAAAGCTTTATGCAGTGAGATAAACTGTAAGTGAACATTTTCTTGGT
TCATGAATGAATCTGAATAATTTTCTG

>trans_s_1152 NM_101150|Arabidopsis thaliana S1 RNA-binding domain-containing protein
(AT1G12800) mRNA, complete cds

AGAAGTGTCCAAAAAAGCTACATTATTGGGTAAACCAAGAAGATCATTCTTCTGAAGAACTCCAAAACTCAA
TAGAGAAGAGGCATCCACCCCTGAAACTGACCTCAATGGTGCTCTTGAGACAGGGAGCTTCTCTGCTATCCCT
GCTTTGGAGGAGCACGAACCTTGCTGACTGGACAAAAGCAGAAGATCTGGCTAAGTCAGGAGATAGAGCTGA
CGTGGAAGTAATAAGCTCAAGTACTCGAGGTTTTGTTGTATCATTTGGCTCCCTAGTAGGATTTATTCCATATC
GTAATCTTGCTGCCAAGTGGAAGTTCTTAGCTTTTGAGTCATGGCTAAGACAGAAAGGTTTGGATCCATCAAC
ATACAAGCAAACTTAGGAATATTGGAAGTAGTGGTGGTGAAGCCAGGCCTTTGCCAGTACTAGGTCAGA
TTCAGAAATTGATGTAAAAGATGGGGGAGAACTTACACCTGATATGAAATTGGAGGATCTTCTTCAAATTTAC
GATCGAGAGAAAAATCAAATTTCTGTCATCATTTGTTGGCCAGAAAAATCAAAGTAATTGTGGTGTTAGCCAACA
GAAAAATCGAGGAAGCTTGATTTTCCATGAGGCCAAAAGAGAGGGAGGAATTGGTCGAGAAAAAAGAAGT
TTAATGACAACACTGCAAGTAGGTGACGTTGTCAAATGCTGCATTAAGAAGATTGCTATTTTGGTATCTTTGT
CGAGATCGAAGGAGTCCCTGCTTTGATTCATCAGACAGAGATTTCTTGGGATGTTAATTTGAACCCTGCATCAT
ATTTTAAAATTGGTCAGGTTGTAGAGGCCAAAAGTTCATCAGTTGGATTTTCCCTGGAACGCATATCTTATCG
TTGAAGCAGATTACACCAGACCCGCTAGCTGAAGCATTGGAGTCTGTGGTTGGTGATCATGATACCATGGATG
GAAGATTAGATTACCCGAAGTAGATACCGAGTGGGCTGATGTAGAATCTCTCATTAAAGGAACTGCAAAATA
CTGAAGGTATTGAGGCTGTATCCAAAGGGCGTTTTTCTTAGCCCTGGTTTGGCTCCGACTTTTCAGGTATAT
ATGGCTTCTATGTATGAAAATCAGTACAAATTTACTTGCTCGATC

>trans_s_1153 NM_001049294|Oryza sativa Japonica Group Os01g0281400 (Os01g0281400)
mRNA, partial cds

ATCCCATGCGCAGCCAGATGATCTAATTGATTTTTACCACTTAAAGAGCAGGAAGGGAATGAGTCAGCTAGAA
CTGGAAGATGAGGTCCAAGATGATCTTAAGCGTGCTACTGGAGAGTTTACAAAGGAGGGCGATGATGCCAAC
AAACTCAACCGCATTCTTCAACTAACTGGATTCAGTGATCCCGTTTATGCAGAAGCTTATGTCAGTGTTTCATCAT
TATGACATTGTTCTTGATGTTACAGTGATTAATAGAACCAAAGAGACTCTTCAGAATTTGTGCCTTGAGTTGGC
CACTATGGGTGACCTCAAACCTGTTGAACGTCCTCAAACTATACGCTTGCTCCAGAGTCAAGTAAACAAATAA
AGGCTAACATCAAGGTTTCTTCTACTGAAACAGGAGTCATATTTGGTAACATTGTATATGAGACTTCTTCTAAT
GTGCTAGAGAGAACAGTCATAGTTCTTAATGATATCCACATAGATATCATGGATTATATTTCTCTGCATCCTG
CACTGATGTGGCATTAGAGCAATGTGGGCTGAATTTGAGTGGGAAAACAAGGTTGCTGTGAATACAATAAT
TCAAGATGAGAAGGAATTCCTAAACCACATTATGAAGTCAACGAATATGAAGTGCTTGACACCAATATCGGCA
TTAGAAGGTGAATGTGGTTTTCTGCTGCCAACCTTTATGCAAAGAGTGTTTTGGAGAAGATGCATTAGTGA
ATGTGAGCATTGAAAAACAAGCAGACAGCAAGTTGAGTGGATACATCAGGATAAGAAGCAAGACTCAAGGT
ATTGCTCTCAGTCTTGGTGATAAGATCACTTTGAAACAGAAGGGAGGCTCATGAACATTCGAATTTGATGAAA
TAATATTTGAAGTTTTTACTATTAAAATTTGTTTTAACCACCCACTGTATTGCCCTTATTTGCGGCCATTGAA
TCATTGCCATTTCTTTTCTTATCTTTTCTTTACTGTTCAATTTTATTTAGAACTTCGATATATCTTGCTCTTACTA
GAAAGAGGGATCTGTTGTTATATGTTAGTGTCCACAAACAAGTGGCAATTCTATGCTGTCTTTATTCTTTATAC
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1154 AY570536|Alyssum montanum chloroplast ATP phosphoribosyl transferase (ATP-
PRT1) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GCTCGTTTAATATATCCACGCGGGCGACGATACGGCTCGCCGAAGACAGAGAGTCCCCGGCGGCAACCATAC
CGTCATTTGTAGCCGTAAGTAGTGCAATTCGTTCTATCTTCACTACGTCGTCATTGCACTGCCTCCTGAAAGCGT
CATCTTTCATCCGAAGCCATTTTCCGCTGATCCTCTCTCTGTTTCTTGTCGTCGGCTATAGGGTTTTATTTCATC
CAACAAAGCTCTGGAAGCTTGAATTGGAATTGCGAGAGATGTGGGCGTTCACAGCATATTTTCAGCCGTCTCT
GAATTCCTCCCTTCTTTTCTTTCCATAAGCTCACGTTCTTCGATTCTCGTGTTTGTCCAAAGCCAACACTCATT
TGCTCTTCTTACAGTCTCAGGTTGAGACTCTTAATGGAACCACAGATGGGAGGATCTCTGAGAGAAATGAAA
TTCGATTTGGGTTGCTAGTAAAGGTCGGATGGCGACTGACACCCTAGAACTTCTCAAGGATTGTCAATTATC
AGTAAAAACAAGTCAATCCGCGGCAGTATGTTGCAAATATCCCACTTTTCGGGGTTGGAAGTCTGGTTCCAA
AGGCCTAAAGACATCGTTGAAAATTATTATCTGGAGACTTGGACCTCGGTATCGTGGGTCTCGATACAGTGA
GCGAATATGGACAAGGTAGTGAAGATCTTATTATTGTTTCACGAGGCCCTGAATATGGGGATTGCCGATTATC
ACTTGCTATACCCAAATACGGCATTTCGAGAATGTAAATCAATCCAGGATCTAGCTCAGATGCCCCAGTGGA
CCGAGTCGAAGCCTCTTCGAGTTGCTACTGGCTTTACTTATCTTGCCCCAAATTTCTTAGAGAAAATGGGTTG
AAACACGTGAGTTTTTCAACGGCCGATGGAGCATTAGAGGCTGCCCTGCGATGGGGATAGCTGATGCTATTT
TAGACCTTGTAAGTAGCGGGACTACTCTGAGAGAGAACAACTGAAAGAAATTGAAGGTGGAGTGGTTTTGG
AAAGCCAGGCTGTTCTCCTTGCCAGCCGAAAGTCCTTGTTCAAAGGAAAGGTGCTTTAGACACAACCCATGA
GATTCTTTGAAGACTGGAAACACATCTGACGGCTG

>trans_s_1155 NM_119867|Arabidopsis thaliana MAP1D (METHIONINE AMINOPEPTIDASE 1D);
aminopeptidase/ metalloexopeptidase (MAP1D) mRNA, complete cds

CTCTCAAATCAGATTTCTTCTGTTCTTTGCTGCCAAAAACCTGTGAAAAAGAATTAGAATCCTTGCTCTCCAATA
CATAAATACACATCAATTCATCTTTAATTGCTGCAGAATTCCTCGCGGCGCTCTTCTCCTCCTGTTTGCACCG
CCGCACTGCCCCGTTTCGTGCACAACAACCACGACAATACCAGCTCCAGTGTTTCAGGCTGAGCTTGATTGTG
AAAGAAAGCGAAAATGGTCGGAGCTTTGGTGTACGGAGAATCAAACTCTTCTCGTCTTTCTGGGAGTTGGT

GCTAACCATTTACTTCGCTCTCGGCTGCCTGTTTCATCAACTCTTTGCCAATAATCCAGGAGGCAAACATGTCTCC
ATGCAATTACCCAAGGCGCTTTCTGGTTTGACCAACCTCTTCTTCAGTAGAAGAAATTTGGACGAGATGCAAA
ATACGAGACGTAAACGTCTAAGACCTGGAAAAATTTCTCCTCGTCTACCTGTTCCAGACAATATACCAAGGCCT
CCTTATGTGAAATCTAAACAACACCTGGAATTGCTAGTGGACCTGAGGTGCATGATGAGAAGGGTATAGAG
TGTATGAGAGCTTCTGGGAGGCTTGACGCCCCAAGTTCTAGAATATGCAGGGACATTAGTCAAGCCAGGTATTA
TGACTGATGATATTGACAAGGCTGTTTCATCAAATGATAATTGATAACGGAGCCTATCCCTCACCTCTGGGCTAT
GGTGGCTTTCCAAAGAGTGTATGCACTTCAGTGAATGAATGCATTTGCCATGGAATACCAGATTCCCGAGCTC
TTGAGGATGGTGATATTATCAATATAGATGTTACCGTCTATCTAAATGGATACCATGGTGATACTTCAGCAACT
TTCTTCTGTGGAGATGTTGGTGATGAAGCCAGAAAACTTGTCAGGTTACTAAAGAGTGCTTGGATAAAGCAA
TATCCATATGCGCACCAGGAGTGGAGTTCAAGAAAATTGGCAAAATAATTCATGACCATGCAGATAAGCATCG
ATATGGTGTCTGTCGACAGTTTGTGGCCATGGTGTGGACGTGTGTTTCATGCTGATCCTGTTATTCTCCACTT
CAGGAACAATGATGGTGGGCGCATGGTGTGAA

>trans_s_1156 AY113032|Arabidopsis thaliana AT5g35570/K2K18_1 mRNA, complete cds

TCATATAGTAGAGACACTACCAACTGCCTATGCCGAATTAGTGCCTTTCAACAAAACACCAATTTCTTGGTCCA
AGATTAGTTACTATAAAGCAGAGGTCCTTCCACTGCTGAAGCAGCACAAGGTCATGATTTTACACATACAGA
TTCCCGGCTGGCTAACAATGGCCTCCCAAGTTCTATACAGAAGTTGAGATGCCGTGTAAATTTCCAAGCATTAA
AATATTCAGCTCCAATTGAAAACTGGGGAACATCTTGGTCTCTAGAATGCGACAGAGTGGAGGCCTTTATAT
TGCTCTTCATTTGAGGTATGAAAAAGATATGCTTGCATTTACAGGCTGCAGTCATAATTTGACAACAGCGGAA
AATGATGAGCTGGTTAGAATGCGTTATGAAGTTGCCATTGGAAGAGAAGGAAATCAATGGGACAGAGAG
AAGGTTGCTCGGTGGCTGTCCGCTGACCCCCAGGGAGACTTCACTTCTGCTCAGAGGGTTGGGTTTTCCATCC
AGAACCAGAATATACTTGGTAGCCGGTGAGGCTTATGGAAATGGAAGCATGCAATATCTCAAGGATGATTTTC
CCATTATATATTCCCATTTCTACACTCACCACCGAAGAAGAGTTGAATCCTTTCAAGAATCACCAGAACATGTTG
GCTGGGATCGACTATGTTGTTGCCCTTCAAAGCAATGTTTTTATTATACGTATGATGGAAATATGGCGAAGG
CAATTCAAGGTCACAGGCGTTTTGAGGGCTTCAAGAAGACCATAAGTCCAGACAAGGCGAATTTTGTCAAAC
TGTTGATGAACCTGATGAAGGAAAGATATCTTGAAAAATTTCAAGTTCGAAAGTGAAAGAACTTCATAAAAA
CGGGCAGGGGCTCCATATCTTAGAGAAGCTGGAGAAATCCCCAAGTTGGAGGAGAGTTTTTATGCAAATCCC
CTTCAGGATGCATTTGTGATAAAAAACAAAGAAAAGTAATGGCCAAAGAATTGACTTATATTCACTTGGA
CTTCGGCTGCACAAGAAGTCTGGACACGTCTCTGCCAACAGCGATCACAACATTCTGAATTTAAGAAAGCTCA
CTCACTGGTTAGAGAATATTTTCATAAACGTGGAGAGGCCTTC

>trans_s_1157 FJ489609|Jatropha curcas 60S ribosomal protein L18a mRNA, complete cds

TTCTAGCAGTTTGGCTATCGGCCGTCGAGAGGTAAATCGAAGCACCGATCTCTTTCAGATCTTCGAGTTTCAA
AATGGTTACATTCAGGTTTCACCAAGTACCAGTTGTGGGGAGGGCTCTTCCTTCTGAATCGGATGAGCATCCC
AAGATCTATCGGATGAAGCTATGGGCTACCAACGAAGTCCGTGCCAAATCCAAGTTCTGGTACTTTTTGAGGA
AGTTGAAGAAAGTTAAGAAAAGCAATGGTCAAATTCTTGCCATTAATGAGATTTTGAAGAAGAACCCAAACAA
GATCAAGAACTATGGTATTTGGCTGCGATATCAGAGCCGAAGTGTATCACAACATGTACAAGGAGTACCGC
GACACAACATTGAATGGTGCCGTCGAGCAAATGTATACCGAGATGGCTTCTCGCCATAGGGTGAGGTGCCCA
TGCATCCAAATCATTAAGACAGCAACCGTTCCAGCAAACTCTGCAAGAGGGGAAAGTACGAAACAGTTTCACA
ACTCAAAGATCAAATTTCCCGTTGGTGTATAAGAAGGTGAGGCCACCCACCAGGAAGCTCAAGACAACATACA
AAGCATCTAAGCCCAACTTGTTTCATGTAATTCTGCTGATCTTGATTATTATTGGTTAGATTATTATTGATTAGAT
TAATAGCAACTTCGAGAAGTAGAAGAAATTTATTTGAAACAATTCGTTTTTCTAGCACAATTATTCCTCTGTTGT
GGAGTTTCATGAGATGAGTTTGTCAATTTTGAATTGATTAATATCTAAATCAAATTTTCTGTCATCTCTGTTTTG
AAGCTTTTCTCCCTGAGTGTTGCAAGTTGTAGTCTTGAATCTTGTGTTGGATTGGAACCTTTGTACCTTTAGAA

TGGAAGGTTATTCTTAATTACCGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
GGCCCCCGCCCCCAAAAAATTTATAAAACCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCGGGCCCAATCCCCCA
AAGGGGGGCGAAAAACCCGCCCTCCGGGGCCGTTTT

>trans_s_1158 DQ673106|Vitis vinifera germin-like protein 2 mRNA, complete cds

AGAATTTCCAATGTTCTAATCCATGTTTAAGCTAAACTAGACACCATTATAGGCTTTAATTTTCATATCATACCA
GAATTGCCAAACAGTTCATATTTTGCAGATACTAACAATTTTGAATCAAAAACAGGAATCAAAGTAAACGGAT
TCACCTGCAAATCGAATTTCTCAGCAGACGATTTCTTCTCAATGGATTAGCCAAATCAGGGCTCACCAACAAT
ACCCTAGGATCGCGAGTAACCGGCGCCAACGTCCAATCAATCCCCGGTCTGAACACACTCGGCGTCTCCCTTG
CCCGAATCGACTACGCTCCCGGCGGTCTGAACCCGCCACACACGCATCCACGCGCCACCGAGATCGTGTTTCGT
CCTGGAAGGCCAACTGGACGTCGGTTTCATAACAACCGGTAACGTTCTTGTCTCGAAACCGATCAAGAAGGG
AGAGATCTTCGTTTTCCCAAGGGATTGGTTCATTTCCAGAAAAACAACGGGAAGGTACCGGCGGCGGTGATT
GCGGCGTCTAATAGCCAGTTCCCGGGTACCAATCGATTGCGGCGGCGCTTTTGGCGCATCTCCGCCGGTGC
CTGATAATGTGTTGACGAAGGCGTTTCAAGTTGGCACTAAGGAAGTCGAGAAGATCAAATCGAGGCTTGCAC
CGAAGAAGTAATAATGAAGATTGAGAATTGAAATTGAAATTGGAAGTGAAAGATTTGTGTTTGAATTTGATT
ACATTTGGTTGTTCTGATTGTATTATTATTATTGTATTCTGTTTTCTCTTTTTCTACACTGATTGATTAATA
ATAATTGGGATTTGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCC
CAAAAAATTTTAAAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCGGGGCCCCCATTTCCCCTAAAGGGGGGGTTAATTA
CCCCCCCCCGGGGGCCCTTTTTTAAACCCGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTTAATCCCTTTG
GACAAACCCCCCTTTTCCCAGGGGGGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1159 Z73942|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB7C

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAAAAGAAAAAGAACCAAAATCCTATAAAATAAACAAGAATCACAAA
AAGTTAACTAAAGAGAAGAATTACATAAACTTATGCGACAAACTGATTGTCATCAACAAATGAGGCTCAGGTA
GAGAGTCAAAACACCAGACGGATACAATGAATATACCTAAGACAGTAAACACAACCTTGCAAGACCAAAACACA
ACTGAATTCATAATGACAGGACTCCGAATGGAAAGCCAAAATGTACAAATAGGAACGCATAGAAAGCCCAAG
TCTGTACGACCTTTATAAAAGACCTTTTGCTTTACTGGAGAATGAAATAGAATAGGAGGTAATTCAGTGTAATA
AACTCAGCAGTCACATCCAGATGATCTTGGCTGATTGTTGCTCCCAACATCAATGGTGTCCGGTAAGTATATCT
CTTCCTCTCCCCACTCTTGAGGGCATTTTTTGCAATGCATTGGAATGCCTCTTCTACGTTAATGCCTTCTTGGC
AGAAGTTTCAAAGTACGGGATATTTCTTTTGATGCACACCAAGCTCGAGCCTTTTCTCTGAAACAACCTCTACT
GTTTCCGCCATCAACATCAACTTTATTTCTAAAACGACAAAAGGAAAATTTTCCGGATCGGAAGGGCTTGCCT
GGATAAGGAATTCTTCCCGCCAGTTGTTAAGATTGTCAAATGATTTCAATTGACATCATACACCAGAACG
CAGCAATCAGCACCTCGATAAAAAGCAACACCAAGACTTTGAAATCGTTCCTGGCCTGCTGTATCCCATATCTG
CAAAGTGAAAAGTCTATCTTCAAATTGTACTTCTTAGTCAAGAAATCAGCTCCAATGGTGGCCTTGATTGAT
TACTAACTTCTTATTCACATATTGATTCATCAAAGAGGTCTTCCCCACCCGCTATCCCAAGGATGATGACCT
TCAAGAGGGTCCTTCTGCGGGAAGGCATGGTTAAGAGAAAGAGGTGAATTCAAATCGGTTGAAAATCGAGA
GAGAGAGAGAATTGATGAAGAAGAGAGGTTTCTGGTCTCTCTCCCTCTGATCAAAAGACGAAGCCAAGCTGG
AGTGATCTGTGAATGGGAAAACCTATGAATT

>trans_s_1160 NM_001049868|Oryza sativa Japonica Group Os01g0558200 (Os01g0558200)
mRNA, complete cds

TGTAAGTGGTTCGGGAAGATTGCGATGCATGTTCTTGAAAAGCTTATTGCTTATGGTGCCCTTCCCATTACTG
TCTCAGATTCAAAGGGATATTTAGTGGACGAAGATGGATTTGACTACATGAAGATATCCTTTTTGAGAGACAT
CAAGGCTCAGCAGAGAAGTTTAAGGGACTATTCAAAGACTTATGCCCGATCTAAGTATTATGATGAAGCTAAA
CCTTGGAATGAAAGGTGCGATGTTGCATTTCTTGTGCATACCATAATGAAATTGATCAAGCCGATGCGATAA
ACCTGATTAGTTCTGGCTGTCGTATTCTAATAGAAGGTTCAAATATGCCCTGTACTCCTGAGGCTGTTGATGTG
CTGAGAAAAGCTAATATTCTCATTGCTCCTGCAATGGCTGCAGGTGCTGGAGGGGTTGTCGCCGGAGAGCTT
GAATTAACCATGCATGTAATTTGATGCATTGGTCTCCGGAGGACTTTGAATCTAAATTGCAGGAAGCTATGA
AACAGACTTACCAGAGGGCCCTCAAAGCAGCAGCTGATTTTGGCTACCAAAAAGAGAGTCCTGAGGCTCTTGT
ACACGGACAGTCATTTCTGCTTTCTGAGTGTGCTCAAGCAATGACTGATCAAGGTTGTGTATAATAGAGACAT
TGAACACTATAGGAAAGTTTCAAAGCTGCTTTCTTCTCCCGTGCCAATTACAAAGATGTCCTGCTGAAGCGA
CCTGTTGGCGAGCCATGTATGGTATCACCATGGATTACGAAACCAGGTAAGTTAAATTGATGCCAGAAATCA
AATTATACGACACCAGTATCTGAATCATAACACACCATGCCATACCTGGGATCTCAAAGGCTCAAATGTTG
AAATCAAGATTGGAACCTGTAAATTATTATTGCAGCTTAGGGTAGGAAAAGGCCTCAAGATTTCTGAACCGGT
AAGTGTGTTACATATGGCCAGTTATACTTCCCTATATATGTGGTTGTTACTCCCTTGTAATACATAGAGATGGG
AAATAAAAATTTGTTTATCTTTACAATTGAAAATGTTCAATGACACCTTCATCAAGCTATTCCTGAAGGCTGTT
TCTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1161 NM_001070256|Oryza sativa Japonica Group Os09g0525600 (Os09g0525600)
mRNA, complete cds

AACATTATACTTCTCCGATCAACTTCCCCTCCTTCTCTAATTCCTCTTTAATCTCTGATTTCTATGGCGATGCCTTC
TCGTGAAGCAATTGATACTTTCATCAGCGTCACTGGTGCCTCTGAAGCCATTGCCGTTCAAAGCCTTGAGGCAC
ATGGTTCTGATCTCAATGCTGCTGTGAATGCTTATTTCAATGAAGGAGATAGAAGTTCGTCTGTAAACGCACGT
CAAGCCTCTGTTTCTGGTGAATATGATTTTCATGGACATTGATGATCCAGTTGAAATTGAACCCAGGGTCTCTCC
TCGGTCTCTTCTATCTACAGCTAGAGAGATAATGAATCCCTTTTCATTACTTGATCAAAATCTGCGCCAGGGGT
TCTTTGACCGCTCTTCTGATTTTACAAGGTCTGGTCCACTTGTGACTCATCCAAGAGAGTTGAGGGAGGTTCCC
ATAGAATTTAGAGATGGTAGTCGACCATCTAACCAATCAGCCCATGAGCCGACAATTGAGGATGTCACTGGG
ATTCCAGATGCCCATGGTCCAGAGGTTTCATGGGACTGTAGTAGTTGATGATGGGGAAGATGAAGAACCTCCC
ATTACGTCTATAGCACATGCACCAGATTTAGACCATCGGGCTGTTGCAAGTAACATATCTCGTGACAGAAATG
CTATATCTGGTGCCTTTGAAAGTGATGAGTTTCAGGACACAAATGATATTGAAGAAGAAATGATTCGTGCTGC
AATTGANGCTTCAAAGAAAGATGTTGGGCAAGCTTACCCGAGTGATTCCATACTACGCACACTGATTTAAAC
AACATTAGAACTCAAGAACACCTTTCTCACGTAGATAATTTTGAATTTTCACCTGAAGCTTCATCTGTCAAGCCA
GAGGAAGGTTTTCTCAGCGAGTGGAGAATATTGGAGGGTCAAGGTAGAAGCTTCCAAGTCAACTGAGGT
GGATGTGGAGCTGAGGAAAGTCAGAGGACTGAATGGAAGGATGGAACAGGAAGCACGTCTGCTCAAGAC
GAAGTTGAAGACCTAGAGGAAGATAATTTAGTTAGGCATCGGTCTAAACGCAAGTCCACTAGCTATGTAGAG
CCTGCAAAGGGGGGTGAAGTAGATGTAAACCTTGCATC

>trans_s_1162 GU292049|Gossypium hirsutum dehydration-induced 19-like protein (Di19-1)
mRNA, complete cds

TGTTGCTAAGGATCACGAGCCCAATCTCTCATTGACCTTATAAAATTTCTCAATCCCCACTTAATTTTTCTTAAT
TTCTCAAAAAAACCCACCAATACTGTGCCGTTTAAGAGCTCTGGTGAAGTTGTGTTGAAGAATTCATCCAAGT
TTCGAACGAATTCAACCCCCCTGAATCGAATTCGTGTTGGGGTTTTTTGTTTGTGTTTAATCTGATTATGGAT
AGTGAAGCTTATACTTATGGTCTCTCTGATGCTGCTGCTGCAAGAAGCTCTAAATCCCAGTCGCATTTTTATTTT
GACTACGAGGAGGTGGATGGGGATGATGATTTGAATTCGGAATATCCTTGTCCGTTTTGTCCGGAGGAATTT
GATTTGGTTGAGCTTTGCTGCCATATTGATGACGAGCATCCCGTAGAAGCCAACCTTGGGATATGCCCTATTTG

TTCTACAAGCGTGGGAGAGAATATGGTTGTACATATAACGATGCAGCATGGAGATGTATTTAATAGTCAACAA
AGATTGAAATTCACAAAGACAATTTTCCTCAAAGTCTTTCTTTTGAGAGAAAAGAGTTACAAGATGACCATGT
AAGGATTCTTTGGGGTTTTCTTCTCTGCACTCAACCTCCAAGATGGCACCCGATCCATTGTTGTCGTTTTATG
CAATGCACCTGTCATCAATGAGTCTAAACTGTTTCAGCCCGAGCCTTCAAGTAAAGAAAAAATGGAGGAAAAA
GTTGTAGATGATACATTGTCTGAAAGGGATGTTTCAGTTATCTTCCATACCTGACACGAAACCAAGAAGAGAAA
ACTCGGAGATGAGACTTCGTACGGGATTTAGTTTTCTCTGTCATATTAGGGGATGATTATAATAGAGGGCAC
AGAGGCAGAAGAGGAAAGTTATTTCAAATTTTAGGAAATGCTATTATGATTAGTGTTTTTATTTCAATGTTTA
TATTACTCTTGTAAGGACATGTAGGAATCGAAGGTGTATCAACGTGGGTAGTAAATATTGGCTAGAAGGTGT
AAGCATTGTCCAAGTTATTTTCCTGGTTATGGAAATCTTCAATCAGAGATTAGTAAACTGGTAGTCAAATAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1163 AF121194|Populus x canescens 14-3-3 protein (14-3-3P20-2) mRNA, complete cds

CTCTCCTCCCCTTCACCTTTCCCTTTCACACTTTGATCCTAAAACCACCCTTCTTCAGATCTATTCTCCATTTTCCTT
CCAATGGCTGCCGCTCCCTCTGTTTCGCGAGGAGAATGTTTACATGGCTAAGCTTGCCGAGCAGGCCGAGCGCT
ACGAGGAGATGGTCGAGTTCATGGAGAAGGTTTCCGCTTCTCTCGACAAGGAGGAACTCACCGTCGAGGAGA
GAAACCTTCTTTCTGTCGCTTACAAGAACGTCATCGGCGCTCGTAGGGCCTCCTGGCGTATCATTTCTCCATC
GAACAGAAGGAGGAGAGCCGAGGTAACGATGACCATGTCTCTGTGATCCGTGACTACAGATCCAAAATTGAG
ACCGAACTCTCCAATATTTGCGATGGAATCCTTAAGCTTCTTGATTCTAGACTCATTCCCTCCGCTGCTTCCGGA
GATTCCAAGGTTTTTACCTCAAATGAAGGGCGATTACCATAGATACCTTGCCGAGTTCAAACCGGAGCCG
AACGTAAGGAAGCTGCTGAAAGTACTCTCACTGCTTACAAAGCCGCTCAGGACATTGCCAATGCTGAGTTGCC
TCCTACACATCCGATCCGACTTGGATTGGCACTTAACTTCTCTGTATTTTATTATGAAATTTGAATCCCCTGAT
CGTGCCTGCAGTCTTGCGAAACAGGCGTTTGATGAAGCTATCGCCGAGTTGGATACCTTGCGGAGGAATCCT
ACAAAGATAGTACTTTGATCATGCAGCTTCTTCGCGATAATCTCACTCTCTGGACATCGGACATGCAGGATGAT
GGGGCTGATGAGATTAAGAAGCTCCACCGAAGCGTGAGGATGAAAAGCAGTGAGATTAGTGGCTCCCCAA
GTAGGGGTAAAACCTTCTCCTTTATATGTTTTTGATAGGAAAAGATGCTTGCTTTGCTTGTTGTTGCTATTTGGT
ACTATCCCTGAGTTCTTTCTAAAAGGCTCTCATGTCAATTTGTTGCCGATTGTGATGACCCGAGCTACAAACCTT
GTTTACTCTTTTTTTCTTCTTCTTCTTTTTCTGATTAATTATTATATCTATAATCAGTCCTTTGTTTCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1164 XM_002874020|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata vesicle-associated membrane
protein 714 (ATVAMP714), mRNA

CGAGGTACGGTGATTTTGGCGGAGTTCAGTGCCGTTACCGGAAATACTGGCGCCGTCGTGCGTCGGATCCTT
GAGAAGCTTCCGAATGAAGCAGACTCTAGGCTCTGTTTCTCTCAAGAACGCTACATCTTTCACATTCTGAGATC
CGATGGCTTAACCTTCCTCTGTATGGCTAACGACACATTCGGCAGGAGGATTCTTTTTCTTATTTGGAAGATA
TACATATGCGGTTTCATGAAAAATTATGGCCGAGTGGCTCTTTATGCTCCTGCATATGCAATGAATGATGAATTT
TCAAGAGTCTTACATCAACAAATGGAATTTTTTCCAGCAATCCCAGTGCTGATACCCTCAGCCGTGTTAGAGG
TGAAGTAAATGAGGTACGGACAATTATGGTGGACAATATTGAAAAAATATTGGAGAGAGGTGATCGTATTGA
ACTGCTTGTTGATAAACTGCAACAATGCAAGACGGTGCATTCCATTTCAAGAAACAGTCCAAGCGACTTCGT
CGAGCTCTTTGGATGAAAAATGCCAACTTTAGCCCTGATGACATGCTTGATCGTGTTATTGCTATATGCAAT
AGTTGCTGCTTTTTGCGGGGAATTACTCTATCTTCTGAGATCTTAACTCACAAACGGGTATGCTTTGATAA
ATAGATTTGAACCTCATTTGCGGGACTTTCAAAATTGGAGAATGGATTACGCGGCTTGCATATAGAAATCAT
AAACATATATATAATACCAATGTTCAAAAGCTGTAAACGTTCTAGATTTGCCCTTTGTAAATTCTTCTCCTGTG
GTTGCAGTATGTTTGTGCTGCTGCTATTGCTCCTGGAAAGCTTGAGTTTATTATACTTCTGCTTTTGACTCT
TTTTTTTTCTTCTTCTTTTTTTAAAAAATATGTTTTGTAGATTGCTTGATGTTTACTAGTAATGTTATGTTTA

TTATTTGATTTGAAGATTTTGGTATTTCAAATGACATGTTTCACTTTTCTAGTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAACCACAGAAAAAGAATTCATAAAGAAAATGAAAAATAAAAAATGATTAAAAAT
TTTCCTTGTTCTTCATGTGAATTTGTTG

>trans_s_1165 NM_126066|Arabidopsis thaliana DGL1; dolichyl-diphosphooligosaccharide-protein
glycotransferase (DGL1) mRNA, complete cds

TCCAGGGGATTGGCCATACTTTAAATCCTGCAAATAGCTTGGTGCTCAAAGCTCTATCAGCATCTCCCGCAGCT
TATTCTGCCAACCCAAAATCCAAGCTATCAAGTCCTCCACAATACTGGATCAGCCATCTCCCTGGTTTCAGTC
ATACAGGCAAGAAACAGTGCCCGGATTTTGATCTCTGGATCATTAAAGTTTGTTTAGCAATCGATTCTTCAAATC
TGGGGTACAGAGGGCTGGGAGTCCGACCAAATTTGATAAGTCAGGCAACGAGCAGTTTTAGTTGAACTAAG
CAAATGGGTTTTCCACGAGAGAGGTCATCTTAAGGCTGTGAATGTAAGGCACCACAAGGTTGGGGAATCTGA
TGAACCGGCAATGTACAGGATTAATGATGAATTGGAATATTCAGTTGAGATTTACGAGTGGTCTGGTAAGACA
TGGGAGCCATATGTAAGTATGATGTTTCAAGTGCAGTTTACATGATGAGCCCCTATGTTTTAAAACTTTATC
GACAAACAACAAGGGTCTTTATCACGCAGCCTTCAAAGTTCAGATGTATATGGAGTGTTCAGTTAAAGGTT
GAGTATCAAAAACCTGGCTACACTACCTTATCTCTATCAAAGCAGATTCCAGTGAGACCCTTTAGGCACAATGA
ATACGAAAGATTCATTCTACAGCTTATCCATACTATGGATCAGCATTTTCAATGATGGCTGGGTTCTTCATCTT
TACTATTGTTTACCTATACAACAAGTAACCAACTTTGCAGATGCATACGAAATCAGTGTAAAGGATGCAGAGCTT
AGTTTCTTTTTGTTATTGAAATAATATTTGAGCTCTACTTCTTTGCATACTTGAATTTTCTAGCGTTGCTGCTAA
AGTTATGGATACTTTAGTCTTAGTGATTAATGTAGAGAATGACAATTTTGTTGAGAAGCAGCTCTTGTTTTAAC
TATAGATTATTCTATGTGCAATGTTGCACCTGGAGATTATAAGTTTATTTGTCTTTTCTTTTCTTTCTGATAGT
TGTAATGAAAAATATCATTATAGGTTTATTTTTGGGTATGAACTGAGATGAGATTGAATTTCCAACCCCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1166 AJ871580|Glycine max mRNA for beta-amylase (bmy1 gene)

ATCTAATCAACCAAGAATTCCTCTCCCCGAATGGGTCTCAAAGATCGGTGAATCTGACCCTAACATCTACTTCA
CTGATCGTTACAGGCAGCCATATAAAGATTGCATATCACTCTCTGTTGATAACCTTCCTGTCCTAAATGAGAAA
ACTCCAATCCAAGTTTACCATGAATTTTGTGAGAGCTTCAAATCTTCAATTCTCAAATCTCTTGGGCTCTACAATC
TCGGGTATTTGATTAGTCTTGGACCAGATGGTGAGCTTCGATATCCTTCCCAGCGACAACCTGAAGTCACATG
GAACTGGAGAATTTAGTGCTATGATAAAACATGCTTAGCCTTCTTAAGCAATATGCTGAAGCAAGAGGGAA
TCCCTTATATGGACTTGGAGGTCCCATGATGCTTCAAGCTATGACGAAATGCCCTACTCAAACAATTTCTTCA
AAGATAACGGTGGTTCATGGGAGTCTCATTATGGGGATTTCTTCTTTCTTGGTATTCTAGTGAGCTAATTGCT
CATGGTGATCGCCTTCTCTCTTGCCTCATCCGTCTTGGCAACACCGAAGCAACCATTCATGGGAAGGTTCC
ATTGATGCATTCTTGGTACAAAACCTAGATCACACCCAAGTGAATTAACAGCCGGTTTCTACAATACTGCCAACA
GGGACGGGTACGATGCTGTAGCGGAAATGTTTGCCAGGAACTCAAGCAAATGATCTTGCCCGGGATGGACC
TATCAGATCAACATCATCCTCAATTATTGCTATCAAGCCCCGAGTCATTAATAGCACAAATCAAGTCAGCTAGC
AAAAAGCACGGCGTAATGTTGTCAGGACAAAACCTCATCCAATACGGGACCTCACGGGGGCTTTGATCTGATA
AAGAAGAATTTAGATGGCGAGAATGTGGAGTTGTTACATACCAGAGAATGGGAGCTTACTTCTTCTCTCCGC
AGCACTTCCCTTCTTTGCTGAATTCGTTTGAAGCGTCCATCAGCCTGAACCGCATTATTATCTTCCCGTCGAA
GACGAGGAAGAAAGAAACATTGCTGAGACGCCGTGTCCAGTCCCATGTCCGAGGCACAGATGCAAGCGGC
ATAAGAGAGGCCAGAGTAAAAGAGTAATGTAAA

>trans_s_1167 AF139466|Vigna radiata chlorophyll a/b binding protein CP29 (CpCp29) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CTTTCTCAACCACATAATAACCCAACCAAAATCCCCAATTTCCCATCTCACATTCTTCAATCCCTCCCTCAAACCTT
CTCGTAATGGCCACCGCCGCCGCAACCTCCTCCTTCATCGGAACACGCCTCGCCGATATAGTGCCGAGTTCTGG
CAGAGTCCAAGCCCGTTTCGATTGGAAGAAAAAGAGTCCGCCGAAGAAATCGCCGTCGTCTAAGGGAAT
TTCCGACCGGCCGCTGCGGTTTCCAGGAGCCAAGGCGCCGGAATGGCTGGACGGAAGCTTGGTAGGGGACT
ATGGATTTGATCCGTTTGGGTTGGGGAAACCGGCTGAGTATTTGCAGTATGATTTGGACTCGTTGGATCAAAA
TTTGCGAAGAATGTGGCTGGAGATATAATTGGGACGAGATTTGAGAGCGCGGAAGTGAAATCGACGCCGT
TTCAGCCATACACGGAGGTATTTGGATTGCAGAGATTCCGTGAATGTGAGCTTATTCATGGACGGTGGGCAAT
GCTGGCTACACTCGGTGCTCTCTCTGTTGAATGGCTCACCGGGGTTACTTGGCAAGACGCCGGAAGTAGAA
TTAGTGGAAGGTTTCATCCTACCTAGGCCAACCCTTCCCTTCTCCCTCACTACACTAATCTGGATCGAAGTTCTA
GTGATCGGTTACATTGAGTTCCAAAGAAACGCGGAGCTGGACCCAGAGAAAAGGTTGTACCCAGGAGGCAA
GTTTTTCGACCCTTTGGGTTTGGCTGAGGACCCAGAAAAGAAAGCAGTGTTACAATTGGCTGAGATCAAGCAT
GCACGCCTAGCCATGGTTGCGTTCCTTGGGTTTGGGTTCAAGCTGCTGTCACCGGCAAAGGTCCACTCAACA
ACTGGGCTACCCATCTCAGTGACCCTCTCCACACTACTATCATTGACAACTTCTCTTCTTAAGCTCCCCTTAATTG
TCTCCACTACTCCTCTCATTATTGTCTCTTTCTAGTTTGTATAAACTTGACTGAGTTATGTGATCCTGAGCTGT
AAGTAGTACTTTGCTTCGCGATTGCTATGTTAAATTATATTATATATCGTGTTACGACACAAATCAAAAAGTGT
ATTATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1168 NM_116659|Arabidopsis thaliana PUX4; protein binding (PUX4) mRNA, complete
cds

ACAATCCGCCAAATTACGCGACCTTCCTCAACATTCTCTCCCCTTCCCTTTACCTCCTCTCTTCCATCAGCATCTTC
AATGGCCTCACGAGACGACAAGCCCTCCAAGCCCTCCAGCAGTCGGACCGGCGGTATTGAACCTTTCCGAT
CTGAATCGACGCTCGCCTGATTCTGTGCGGACCCCGATGGTCCTCAAGAGTATTATACGGGTGGTGAGAAGA
GTGGGATGCTTGTCCAAGATCCTACAAAGGGTAATGATGTGGACTCGCTTTTTAATCAAGCTAGGCAAATGGG
AGCTGTAGAAGGCCCTATTGATCATGCCCCTTCATCAGGCTCCAGCAGTTTTACCGGAACTGGTAGGTTACTCT
CAGGAGAACTGTACGTTCTGCACCTGATCAGCCCGAGAGCATTGTTACAATATTGTATTCTGGAGCAATGG
CTTTACTGTAAACGATGGCCCTTTGAGGAGGTTGGATGATCCTGAAAATTCATCTTTTTGGAGAGCATTAGAA
AGTCTGAGTGCCCCAGAGAGCTTGAACCTGCAGACAGAAGGTCTCCGTTTCATGTTAATTTAATTAGGAGAAT
GGAGGAGTATCGTGAGCCAGAGAAACCACGTCTTCCATTTCAAGGTGTAGGAAGAACTCTTGGTGGTACAGC
TCCATCTCAAGCAGCAAACGGGCCAACTGCTACTCCCACTGATGTCAATAGCAGTCCAAGCCCTTCTGCAGGC
CTCATCGTGGATGAATCGTTGCCGTCAACCTCAATTCAGCTTAGGTTGGCAGATGGAACACGCATGGTATCTC
ATTTCAATTACCAACACACAATCAGTGATATTCGTGCTTTATTGACGCATCTAGACCAGGGGGTGCCAGGAA
CTATCAGCTGCAGTTGATGGGTTTCCCTCCCAAGCTTCTTAGTGACGTGACCCAGACAATCGAGCAGGCAGGT
CTTGCCAATTCTGTTGTTATCCAGAAGTTTTAGCAACTTAGATAAACTTTCTTTTAGACCGTAACCTAANAGAGG
AAAAAAAAAAACATTCAAACATGAAATGGTTTCTCAGATTGGAAAAGTTTGTGATGAATATTGAAGTATAG
TCCAGGTGTTGAAAAATCGTGGGGTGTCTATT

>trans_s_1169 NM_112819|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT3G19320)
mRNA, complete cds

ACCCTTCACACACCTCTCTCTCAATCTCTGCCGTCGCAAAAAAATGTGGCCAAAAGTCTTCACCGTCTTCTTGG
TTTTACATTCAATCTTCTCCTACATGGTGTGCCCCAAACCGGACCTCCCCGCCAAACCCAACCATCACGCGAA
TCCGACCAAGGCCACCCTTGATCCCACCGGTACAAAGCTAAAGCCTCGACAACCAATTAATAACCCGGGACC
TCTAGCCAATAGAGCCAGAATCCTATACATAACTCAAGAGCTAAAACGAAACATTACTTATGACCCAAAAGGG
TACACCAAAACCTGGGTTGGCAACAATTATTGCCTCTTCAAAGGGTCTTTTGGCAGCTGGTTCCTGACCTTAA
CATCACTGGCTTATCCTCTATTGACTCCAGTGGCGCAAGATTGGTGGCCCTTCTTGAACCTCTATCGTTTCAT

TCGTAATTTGCCTGACATTGCTCTTTTCATGCGAATTCCAACAACCTTTACTGGCGTTATCAACCGTAACATTAA
CAAATTACGGTACTTGTATGAGTTGGATTTGAGCAACAACAAGTTCCTTGGTGGGTTTCCTGGGTATATCCTTG
GTGCTAATAAATTGTCGTTTGTGGACTTCCGTTTCAATACTTATAATGGGTTCGGTTCGGTATCGGCTGTTTAAC
ATTGATACGGATGTGTTGTTTACCTAATAATAATGGGTTCACTGGAAGGATCCCGCAAGCCACCTTCGGTAACA
CACCCGCGCTCTACATCACACTTGCCGGCAACAATTTACAGGACCAATCCCACCAACAATCGGGCGAGCTTG
GAGGACTCTTACGGAGGTCTTGTTCTTAAAAATAAACTCACGAGTTGTTTACCATTGAGATAGGCTATTTGG
TAAAAGCCACGGTGTTCGACGCCAACACCAACATCTTAACAGGTCCAATCCCACAGTCATTGGTGTGTTATTT
AGCTCCAAATTCTAACTTAGCCGACAACCAATTCTACGGAACCATTCGGAATCCATCTGCAGGCTTCCAGA
CATTTACAACATTACTCTAAGCAACAATTACTTCACACGAATCGCCCTCAGTTTGCCGTAAATTAGTCACAGCCC
AAAGGCTCCTCTTCCAAGGCAAC

>trans_s_1170 AF531363|Gossypium barbadense fiber protein Fb2 mRNA, complete cds

CTCTTTCACATTTTGGTTTGTGAATTTACCTTTGAGAGAGAAAAAACCAAAATCGATTTTTTCAGTTCGCAGT
TCATCTCATCTCTCACTCTCATTTCTCAAATCATCACTTTCCTTTCTTTCCCTAATTTTATCTCTTTTTAGGGTT
TTCATTTTGGTTTCCCAATTTGCTGTTGCTCTGTTTTGGATCATAAGCTTCTTCAAACCTTGCTTCAAAGTTTCTGC
AGATTGAAGCTTCAACTTGGAACCAATTTTTTTTTTTTTCTGCTAGGGAAGAGCTATGGATGCTGATTC
GTGGACTGCTCGTCTTCTTCTGCTTCTAAGCGTTACCAATCTGCTCTTCTATCACGATCTGGTTTAGGTATGTT
CATGGGGTTTGAAGAACTTGAAGGGGATGACGATATAAGGGAGGAATTCCCATGCCCATTTTGCTCAGAATA
TCTTGATATAGTCGGATTATGCTGTCACATTGATGAAGAGCATCCTATTGAGGCTAGGAATGGGGTATGTCCA
GTCTGTGAAATGAGGGTGGGAGTTGACATGGTTGCGCATATATCCCTGCAGCATGGAAATATTTCAAGGTGC
AGCGTAAGAGAAAATCTCGTAAAGGTGGTTCACACTCAACACTCTTTTATTGAGGAAAGAGCTTCAAGATGG
AAATTTGCAGTCTCTTTTTGGGGTTCTTCGTGTTTATTTACTTCTCCAATGCTGCGCTGACCCATTACTTTCA
TCATTTATTCTACCGTTAGCTGATGACTATGGCAGTGTTCAACCACACTTGTTGGCTGAATCAAGCTCCGTGAA
GAGTAATTCTCAAGACAAAGCAGTAGAACGGTAAGTTAATGATATATTACCACTATAACAATGCCGTTACTCTC
ACAAGTCCGTGCACAAGATAGCATCTCTTTGATGGGAAGTTCAATCGTGTTCAATGTGAAAAGTTCGTGCAA
GGAGTTCTTTTCTACTCTTTTGTAAATAAAATATTTACTGACATGAGATTAGTTTAACATAGGCTGACATACGT
TTTCTTTAATCCCAATCCCTAGCATAGTGAATAAAGAGAACCCTAGCATAGTGAATAAATGTTCTCTTGTCAG
TCTAGTTGATATTATTGAT

>trans_s_1171 NM_203219|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein
(AT5G57150) mRNA, complete cds

AGCAAATTAGCCACTCCATTTCTCTCCATCGCCGCCGCGTTCTCCGACCGTCCGCCCTATTTCCCGCCGATGGA
GAACATTCTGGATGAGTATCGCTATTACTGGGAAACCAATATGTTTCTCAGACGGAAGAATTGACAGAAAT
TTCAGTTGGGGATTAGATGAAGCATTTTATGGTTCTTATGATTCGAGCTCACCGGACGGAACGATGTCATCATT
GGAGGCGTCGAAGAATATCTTATCGGAGGAATCGAGGGAAGAAGCTTAATGATAGGCTTCTTGCTCTCAGAG
CCGTCGTCCCTAATATCACCAAAATGGACGAGGCATCGATAATAAAGGATGCAATTGAGTACATTCAAGAGCT
TCGATCAGAAGAGAATCGAATCGAAACCGAGATTTCAAATCTAGAATCAGGCAAATTCAAGAGCACAAACATC
AAATGAGGACGATGATCGTGAAAACAACAATCGAAATACAAGGAAGAGGGGAACAAAGAATTCTAATCGAC
AACTACGGGAGAAGCCAACGTCTTTCCCGATCGAAATTCTCGACTTGAACGTGAGTTACATGGGAGAGAAGA
CGATGGTGGTGAGTATGACGTGTGAAAGAAGAAACGACGCCGTATTGAAAATTTGTCAAGTGATTGAATCTT
TGAAGCTGAAGATAATTACGGCCAATATTACCGTCGTTGCCAATAGGCTTCTCAGTACGCTCTTCCTTGAGGTT
CAATTCCTTTCTTTTTAAACCTTAGCCTTTTGCTTTCCATTCAATAATCAATCATCAAAGGCTTCACTATATTAT
TTTTCGTGATTAAGTGACACCATAGTAAGAAGAGTTGTCTATATTATGATCTCGATTCTTCATTTGTCATGATA
CAATTATTTAAGATGAAAAAATCTTAGATGCTGTTTCGATTGTCGATAAGAGTGTTTAAATGACTTGATAATCC

GAACAATTCAGACTGTCTATCCTAAATTGTAAGAGTTGAGTTTGGTAATTTTGTCTAATCTTTCTATCTTTTGT
CAAGTGGGATAGAGTTTGTAGTAGACAATTTTTTTTTTTTGGGTAAACCAACCTAATCCATATTAATAATAC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1172 NM_130025|Arabidopsis thaliana RAB6A; GTP binding / protein binding (RAB6A)
mRNA, complete cds

AAAGCAAATCAACACAAAGAACAAACCAAAATCCAGAGTTTCTCCATTTGCAACTCATTTCAATTCATTCCCAA
ACCTTCTTCTCCATCCCTTAATTCTTCTCTCTCGGAATTTTCAATCACAGATCTCCCCGGAAATGGCTCCACCT
CAGCTCTGGCGAAGTATAAGCTCGTCTTCTCGGTGACCACTGTGTTGGCAAACCAAGCATCATTACACGCTTC
ATGTACGACAAATTCGATAATACATATCAGGCTACCATTGGTATTGATTTTCTCTCAAAAACCATGTATCTGGA
AGATCGTACCGTTCGACTGCAGTTGTGGGACACTGCTGGACAGGAAAGATTGAGAAGTTAATACCAAGCTAT
ATCAGGGACTCATCTGTCGCTGTCATCGTTTATGATGTTGCAAGCCGGCAAACCTTCTAAACACTTCAAAGTG
GATTGAGGAGGTGCGCACTGAGAGAGGCAGTGATGTCATTATAGTGCTTGTGTTGGGAACAAAACGACCTTGT
GGAGAAGAGGCAAGTCTCCATAGAGGAAGGAGAAGCCAAAGCCCGTGAATAATGTCATGTTTATCGAAAC
AAGTGCTAAAGCTGGATTCAATATCAAGGCACCTTTCCGAAAAATTGCTGCAGCATTGCCGGGAATGGAACT
CTGTCGTCAACAAAAACAAGAAGACATGGTCGATGTTAACTTGAAGTCCACAGGAAGTGGTGCCGCACAATCC
CAGCCGCAGTCGAGCGGATGCGCGTGCTAATGAAGGACAATACGAGGGGTATTGAAGGAATCCAGTGTTTC
TTGGTTTTTGCTTGAACACCTCAACCTTCTGAACTGTCAGCCCATTGAGGTAACAAAGATGAGGTTTTATATC
TATGAATGCCTTCTTGAGCAGAACTAAATTCGTAAAAATGGAATCGGTGGCAAAGAGTAGACTGAGTTGTTAT
TTTATTGAGTAATTTGATGTATTGGTTGGTGGAGTCATTGTTTGGGTTTTGGGATTGAGGAGATTGTAAAAAAT
AGAAAAAAATTATGTGTTGGACTCGATTACAGAATTTTGCTTTTATCTGTAAAGTTGAATTCATCTCTAGAAC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1173 AY773090|Cucumis melo glutamine synthetase mRNA, complete cds

GACCTTGATCTTCTGAGAAGGGTTCGAGTGTGAGCATGAAATTCCTTGGTATGGCATAGAGCAAGAGTACACC
TTACTTCAGACAAATGTGAAGTGGCCTTTAGGTTGGCCAGTTGGAGCTTATCCAGGTCCTCAGGGCCCTTATTA
CTGTGGTGTTGGAGCTGATAAGTCATTCGGTCGAGACATATCAGATGCCCACTACAAGGCTTGTTTATATGCC
GGAATCAACATTAGTGGCACCAATGGAGAAGTTATGCCTGGCCAGTGGGAGTATCAAGTTGGTCCTAGTGTT
GGGATCGAAGCTGGTGATCATATTTGGTGCTCTAGATACATTTCGGGATCTTATCACCGAGCAAGCTGGAGTAG
TTCTCTCACTGGATCCAAACCAATTGAGGGTGACTGGAATGGAGCTGGATGCCACCAATTACAGTACAAA
GAGCATGAGAGAGGAAGGAGGCTTTGAAGTCATAAAGAAGGCAATTCTGAATCTGTCTCTTCGCCACAAAGA
TCATATCAGTGCTTATGGAGAAGGAAATGAGAGAAGGTTGACAGGAAAGCACGAAACAGCAAGTATCAACA
CGTTTTCTGGGGAGTGGCTAACCGTGGCTGTTCAATCCGTGTGGGACGTGACACTGAGAAGCAAGGCAAAG
GTTATTTGGAAGACCGACGTCCGGCTTCAACATGGACCCATATGTCGTGACCTCACTGCTAGCAGAAACAAC
GATACTGTGGGAGCCAACACTTGAAGCCGAAGCACTGGCTGCTCAGAACTGTCATTGAAGGTTTGAAGCCA
ACGAGTCATATTTGGTCTTGAGGGCAAAGTTCTAAGTGGATTTCGCACAATTTACCAAACCCCTTGCGAAGAAT
TTCCCTCATTCTGTTAGATAATGCAGAGAAGACCTTTGTAAATAAAGGTCTTGAAGTCTTCAGTCAGCTTTTC
AGAACAGTCATACATCCAAAAAATATTTTGAAGCAAAAAACCTTCATCTGTGTACTTTGCAGATGGTGTTTG
CCAATTCTGATTGAAATTTATGTGATGTCAGATGTTCACTTTATTTGAATGTTTATTCAATTGGATTTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1174 NM_001058449|Oryza sativa Japonica Group Os03g0851300 (Os03g0851300)
mRNA, complete cds

ATCCCATCATTAATGGAGTTGAAGCGTATTTACTATGAATTGATGATCAGGTATTATTCCCACCAGAAGGATTA
CCTTGAAATTTGTCGCTGCTACAAATCAATATATGACATTCCGTCTGTCAAGGAAAACCTCGGCTCACTGGATAC
CAGTCCTGAGGAAAATATGTTGGTACCTAGTTCTGTCAACACACGATCCCATCGCAGTCGAGCCTTCTTAATTC
TATCTTGGAAGATAAAAAACCTTCAGAGATTCCAAATTCAGATTGTTGTTGAAACAGCTAGTTACTATGGAGG
TCATCCAATGGACGGCTTTATGGAATGATTACAAGGATGAGTTTGAGAATGAGAAGAATTTGTTAGGTGGCTC
TTTGGTTGAGAAGGCTGCAGAAGATCTTAAACAAAGGATAATCGAGCATAATATTCTCGTTGTGTGCAAATAC
TACTCAAGGATTACATTGAAGAGACTTGCAGAGCTTCTGTGTCTCAACCTCCAGGAAGCAGAGAAGCATCTGT
CTGAAATGGTCGTTTCCAAAGCTTAGTGCGCAAGATCGACAGGCCGATGGGGATTGTCAGCTTCAGACATC
GAAGGACAGCAATGACATTCTCAATTCATGGGCAATGAACTTGGAGAAAACCTGCTGGATCTTGTTGAAAAGAG
CTGTCAACCAATACACAAGGAGACCATGGTTCATAAAGCTGCTCTAAAAGTTTGAGAAGGAGCCACGGTTCAT
TGTTGACCCAGAATTTGGCATCATCGGCTGTTCTGCCAAACAGATCCATGAAGAATTTGTCAGATTTTACGAT
GTGGATTGTTTTGATGGTAAGGAGCAAAAACCTGTTATTAGAATTGGAAGTAAAGATTGTTGTATAATACCGAC
TAGAAATCGGAACCGACCTTTTCTATTCTTGTATCGTCGGGCATTAAATCGCCTTGGGTAGTCTCAGTTCTTA
GGGGATTTGTTTGCTACGTTCAATTCAGCTACCATTTTATCCAGTTTAGGCGTGTATGCCTATTTCAACTTTGGTT
GTGTGCTTGGGATAATTTTGTGTTTGACGTTTCTTTTTTCCAATTTGTTAATGATTTTTTTTTTAGCTTTGGAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1175 AY104504|Zea mays PCO127462 mRNA sequence

ACACTTCAAATAACCCCTTCAATTGGATTCTTGAAAACTGTTACAGAGATCACAAAGGATAAGAAGGTATTGA
AGAAGACCCAGAAGGAGGGGAGAAGGATATGAACAGCCAAATGAGGGAGCAGTGGTGCAAGTGAAACTTAC
TGGTAAACTGGCTGATGGGACGATTTTTACTAAGAAGGGTGATGATGAGAAACCGTTTGAGTTTAAAATTGAT
GAAGAACAAGTCGTTGAAGGACTTGATTTGGCTGTGAGAAAGATGAAGAAGGGAGAAATTGCATCGGTGAC
GATCCATCCACAATATGCTTTTGGATCTTCGGATTCATCACAAGATCTAGCTGTGGTTCTCGCAAATTCAATTGT
ACATTACGAAGTTGAGCTGGTTTTATTCTGTCAAAGAAAAAGAATCTTGGGACTTGAACAAAGCAGAAGAGAA
AATAGAAGCAGCAGGTAAAAAGAAGGAAGAGGGGAAACGTTCTATTCAAAGCTGGAAAATATGAGAGAGCAT
CAAGAAGATATGAAAAGGCTGTTGCTACATTGAATATGATACTTCCTTTAGTGATGAGGAGAAGCAACAGA
GCAAGGCACTAAAGATTTTCATGCAACCTCAACAATGCTGCTTGCAAATTGAAAGTCAAAGACTACAAACAAGC
AGAGAAGCTTTGTACAAAGGTGTTGGAACCTGACAGTAGGAACGTGAAAGCTTTATATAGAAGGGCTCAAGC
ATATATTCAACTTGTTGATCTTGATCTTGCTGAGCAAGATATCAAGAAAGCCCTTGAGATTGACCCAGATAACA
GGGATGTGAAGATTGAATACAGGCAACTGAAAGAGAAAAGTGAAGGAATACAACAAGAGAGATGCACAGTTT
TATGGTAACATTTTTGCAAAAATGAACAAGTTGGAACATGCTAAGTCTGCTAATTCAGGTGGAAAGCAAGAG
GGAGTACCAATGACCATTGATAGCAAAGCTTAATGGCCAATAGATTTTGATACTTTAGCTGTCATAGCATCAA
ACTATGCATTAACGAAATGTAATGTTGTCGTCATGTTTTGGAGAATGTATATCGTTGCATACTCTTTGTATAAA
ATAAGTCGGGTGTTTGGAIAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1176 X79267|B. verrucosa Betv III mRNA for pollen allergen

TCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAACGAAATCAAGTCCCCTCTCGGCCTCATCCCCAAATCCTG
TTGTTTGTTCGTTTATCCGAAATCTTGAAATGGAAGCGGTGGCCTCTCATGTTCCCGACCCCGGCTGACGA
AGAAACCTCTTCTTCGTCTTCGTCTCAGGCTTCGGTGCCGAGCCTGAACTCCCTTCGCCTGCGTCGCATAT
TTGACATGTTGACAAGAACGGGGACGGGATGATAACGGCGGAGGAGCTGGGTCAAGCTCTGGGGCTTCTT
GGGTGGATGCTGATGAATCGGAGCTGGATTGACGGTCAACTCCTTCATAAAACCGGGAGATGTGGGTCTT
AGGTTGAAGACTTCGCAGCCCTGCACCAGTCGCTAAATGACGCCACCGAACTCCAAGTGGTTCTAAGAAAGC
TGAGATTGGCGGAGGGGAATGAGATCGACAGGGTTCAGAAGATGATTTTGTGCGTTGACCGCAATCAGGAT
GGCCGGGTGATTTCTTCAATTCAAGGACATGATGCGCAGTGTTATCGTCCGGAGTTGTTGATTGCTCGAC

GCCCCATGTTCTGTTCTGTTTCCACTCTCCCAGTCCAAACACCTCTCTCGGGTCTCTCGTCGATCATCGTCTCAG
CCCCTTTCCAAATTTCTATTTTCTTTTCTCCTTTGCTTTGCCTTTTCTATGCAACTCGTCAACCACACCCAATATT
CTTCCTCCCCTTCAACCATCTATTGTATTATTAATAATCAATCATTAAATTAGTTCATGCTCAAAAGAATCCACATT
ATTATTATTTCATAATTAATTCATGTTACCCCTCCTCCCTCCACCCTCCACCCTGGGTCTGGCTTCTCTATGACTT
ATCCCCAATGCCTTTGCCTCTCTGTTATTTCAAATATTGCGGACTCTTATTTCCGCTTCAATCAATAAATATATAC
ATCTTGTTCTCTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1177 NM_114781|Arabidopsis thaliana pectinesterase family protein (AT3G49220)
mRNA, complete cds

CNCCNGGCCGGACGGCCCGTGCNGCCGGCCGCCANGNNGGTCGNGGGAATNCGATTNNCNGTGNGCNCG
GCACGCGGTACGAATAAGAAAACTNGACGGTTGGGAGGANGAANACTANCCTNNTGTTTGNTGGAGATG
GTGAAGGGTAAACTGTCATTTGGGTTCTAAANGTATNTTNGCNNANGTGNCNNCTTTTNCACCGCNTTC
TTTGNGGNCACCGGCGCCNNNATAATCTTGAGGGACATGNCNTTCGAGANTTGGGCTGGACCGGNNCGGC
NTCAAGCNGTTGCNCTTCNNGTCGGCGCCNCCATGCANGGGNCTACCGNTGGAACATANTCNGGTATCAN
GACACTCTNTACGNCCATTCGANCCGNNAATTTACAGAGAATGCGACATTTACGGGACAGTGGATTTTCATCT
TCGGCAACGCGGCAGTGGTGTTCAGAACTGCAGCATTTACGCTCGCAAGGCAATGGCACTCCAAAANAAC
ACGATCACCGCCCAAAACCGGANAGATCCGAATCAAACCACCGGAATTTCAATACACGCCTGCCGAATNTTGG
CGACCTTCGATCTACAATCGTTCAACACCTNTAACCCGACCTATCTGGGGCGTNCGTGAAACTATACTCAAG
AGTCCGNTTATGTTATCGTACCTGCCCGGGCGGGCGCTCGAGCCCTATANGGAGTNGTATTNGAATCACTA
GTGAATTCGCGGCCCTTGCAAGTGCNCCATATGGGAAAGCTCCACNCGTTGGATGCATAGCTTGAGTATTC
TATTTGNCNCCTAAATAGCTTGGCGTAATCATGGGCNATAGNTGGTTCCTTGNGGGAAATTGTTATCCCCTTC
ACAATTTCCACACAACATCCCTAGCCGGGGAGCCNTAAAGNGTAAAAGNCCTGGGGGGGCTTAANGGGNG
GGNTTAACCTCACATTTAATTNGGGNNGGCGCTTACTGGNCCCGCTTTTTTCAGTTGGGGNAAAANCTTGTTTT
GCCCCCNGGGTTTTAATGGAATTTGNCCNCCCCCCCCCGGGNAAAAAGCGGGGTTTGCCTNTTTGGG
GNGCNCNTTTTCCGGTTTCNTTNGNTTAAATGGACTTNNTTTGGGGNNTAAGNT

>trans_s_1178 EU826522|Brassica rapa cultivar Yellow sarson GL2a (GL2a) gene, complete cds

ACTTCAACTACTTACCATTGTTGTGTGCTATGTATGTGTTGAAGGATTTCATGGTCATTGGTGAATATTAGG
CTTAAATAATAAGCACCTGCATAGCCTAGCCCTAGCTAAGACTTGTGTTAAAGTACATTCTACATTTTGCCAAG
TACAGCTCTCCCCCTACACATGAATGTACTACAAAGTACATAGTCATTTGGCTGACTCCAATTTCAACTCATGG
TTGTACTGCATGTGCAAGAAGTACTTGTACTCTATAATGGGGAATTTGGAAGTACTCTCTCCCTACTCCTTCCTT
CCATGTTTTTCCGTTGCCTGGTCAACACGAAACATCGTTGCTGCATCTTCATGTTTGAGCAACAATGACCGAAT
TTAATTTTGGTGAACTTTTTAATATATACAAACACACTCACACGGTTGCCACACACTGATGGTGTCTTATTTAGG
ATTCACTACCCAAATTTTGAGCCTAAAAAAGACATGTGATACTTTGCTAAAATGAAACTTCGTAAACGTAGAT
TGGTCTCTCTCGCGTTAATGTTCTCGCTCTTTCATTTTACTCCTCTCTCCTCTCTCTTCTCGCTCAGAGTCTTAG
ACTCCAACACGAACTTGTGAGATCGAAGACTTGAGTGCACAACAGAGATAGATTTGAAAAGCCGCATGAAG
AAGAGACCCTCTGCAAAACAATTCCGTGAAGAGAAGCAGCGACAACACTGAGGTACTGAAATGGAAGAGAT
GTCGTGAGAGCAAGGAGAAATGTTGATCAACGGCGGAGGCAAGCTCAAGAAAATAAAGAAGGGGAAAGG
TAAAAAAAAACACAGAGAAAATCAAGAGAAGAAAGAAAGAAAAGTAAGAAAATAAGTAATTTAATAATTT
TGATTGATGATGATGTGAGCAGAGAACAAATTTCTTAAAATTCACAAGTCAATTTATTTTTAGTGTTTACTTAT
GTAATTATCTCGTCTTACCGAATTTAGAAGCGCAGCAATAGCATGGTAGGGAAAAGAGTTAAATATTTAAAT

GGTAGAAAGGGGAAATAGAAGGTTTTGTATCGTAAACTAACATTCTTTTTTAAAAATCGTTTAATCTTTTT
CGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1179 AY143840|Arabidopsis thaliana At4g27320/M4I22_130 mRNA, complete cds

AAATTTCAAATTGATTCTGATTTCTCCATGGATCCTCAGAGCTATCTTCGAAATCCCACCTTAGAACCTGACCC
CCAATTCCCAACATCAAAATTCACCATCCAGCTTCCCCTCGCCACCCTTCCGCCGCCACTCCCGTCGCCACCCC
CACCCCTACTGCCGGCGCCCGCCGAAGATTGGTGTCTGCTGTTGACCTTTCGAGGAGAGTGCTTATGCTGTT
CATTGGGCTGTTCAACACTATATTCGCCCTGGTGATGCTGTCATTCTCCTCCATGTTAGCCCTACTTCCGTCCTTT
TCGGCGCCGATTGGGGTTCTATTGACATTACTCTCGATACCGTCGGTAATAACCCGGATGATGATGATGCTTT
GAATTCTGACAATGGTCAACAGCAGAACCACACCGAGCGCTCTAAACGTAAATTGGAGGATGATTCGATGCC
TTCAGTGCCTCTAAAGCTGCCGATCTAGCCAAGCCCTTGAAAGATGCTCAAATTCCTACAAGATTCACATTGT
GAAAGATCATGATATGAGAGAGAGGCTTTGTCTGGAAGTGAGAGGTTGGGGCTGAATGCCCTGATCATGG
GTAGTCGGGGTTTCGGTGCAGCAAAGCGTGGAATGACGGTGGACTCGGGAGCGTTAGCGATTATTGTGTG
CATCATTGTGTGTCTGTAGTGGTGGTGCCTTTCCGGATGAGAAGGACGTTGGGGTCGGTGCTAGTTCTC
TGGCTGCGCGGAAGCCGGACGTTGACGCCCCGAAAAAGTCAGTAGCCGAGCCAGTGGAGTCTAAAGGTGTTT
AGATGGTAACTGTCCAAATCAGAGACTGATTTCCCCATGTGCAATTTGTGTTGAAAAGCTTGCCCTGTCATCCTG
ATTAGCCGAGGTGCAAATGGATTGTCGGTTTTGAGTCTGAATTACAGAGCCCCTGTTTTCGAAGATGAAGAA
ACCATGAATAAGAAAATAATTGCCGAATGATTTGAAGTTGATGTCTGGCCTTTCAAATTGTTTAATTGCTTTGA
TATCAATAATATTTGTTGCTTTCTGCCACGGTTTTTTAATCTGTTTCTAATTATCGAATCCCTCGAACAACT
TGTTATGTTGCTGAATTTCTGATTAATG

>trans_s_1180 XM_002880650|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2410, mRNA

TGAAGCATGCCTCGATGACAAGATTGATTTAAATGTGAAGTTCTGGAAGTACGAGCAAAGAATATTTTCAGT
GGCCAAGTTGACTCTCAAATGCAAATTACTGGGTCGATATTGCAACCGAACATCTCTGGAAATATTCAATTGA
GTCGTGGAGAAGCATATCTACCACATGATAAGGGTAGTGGAGCTGCTTCATTTAATAAAGTGGTATCAGACCA
GTTCACTCTTCTCCTGGCAGTTTGAACCAAGTAGTTGCTTCTAAATATGCTTCGTTTTTTCAATTCGGAATCTA
CAGCATTGAAAAGTAGATTCGGTGTACCCCGAGATAAAGCTGTTGACATTGAAAAGGAGTCCAGAAATGTAA
CGTCAAACCTAGTGTTAACGTCAGCCTCAGTGATTTGAAGCTTGTTCTTGGACCAGAATTAAGGATTCTTTATC
CTTTGATTCTAAATTTTGCTGTTAGTGGAGAGCTTGAGCTTAACGGTTTTGCTCACGCTAAAAGCATTAAACCA
AAAGGAACTTTAACTTTGATAATGGTGACGTGAATCTTCTGCGACCCAGGTAAGACTGAAACGGGAGCATC
TAAATATAGCAACTTTGAACTGAGAATGGGTTAGATCCTATGCTAGATTTAGCTTTAGTAGGTTCCGAGTG
GCAGATAAGAATACAAAGTCGGGCAAGCAAATGGCAAGAAAAATTAGTGGTGACGTCAACCCGTTCTGTGGA
ACAAGATGCTCTCTACCCACTGAGGCTACTCGGGCATTGAGAACCAATTGGCAGAATCAATATTGGAGTCA
GGTGGGCAATTAGCCTTGAGAGCTTGCAACTGCTACGCTCGAGAACTAATGCCTAGAATAGAAGGAAAG
GGTGAATTTGGTCAGGCTAGGTGGAGACTAGTGTATGCTCCACAAATCCCACTTTACTCTCCTTTCCAAC
TGATCCTCTCCTATCGCTCACCAGTAATATCTCATTTGGTACTGTTGTTGAAAGTCAGTTGGAAAGCGCATTC
AGGCCTCCATGATTCGCCAAATGAAGGAGACAGAGATGGCCCATGCATGGATGATCACGTACAAGCTTACGA
GCCGCTTTGCGATGGTCCTTCATCAGCTCCAGC

>trans_s_1181 XM_002873422|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ATTCATACACGTTTTTGCCCCTTTCTAATTTCCCCCTTTTCATCTCTTTCTCTCTCACAGATTATACCCTCCCTC
TCTCGTTTTCTCAATATACTTCCTTCATTAAGTTTCTCTACTTCTTCATTTCTTTGATTGTTCTTAACCACTACAA
GAGGATACCAGAGTTGGAGCATCTACAATTTATTGTACATGGATGATTATCCTAGTAAAAGAGTTGCTGATGG
ATATACATCCAGAAGGGGACCCAGTGCAATTTTGAGAGATACTGCAAATAGCAGAGACCAAGATGGTAAATA

>trans_s_1182_EF694004|Castanea sativa pseudo-response regulator 7 (PRR7) mRNA, complete cds

>trans s 1183 FJ906832|Jatropha curcas actin-depolymerizing factor 6 mRNA, complete cds

[illegible]

AATCTATCGAACCTTATTATCATTGGAAATTTGTTCTATGATGGATCTGCCCCATTGTCTGGTTTTTTTTTTCATT
ATGCCTTTAGAATTTGCACTTTATGATGTGAAATGAAGAACACGACTCAGTGTACCGATTATCGAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1184 XM_002869515|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AGAGGTCACCTCGTTGACTGCTTTAATTGCTAATTCATTACAATAGCTGTTTTTTACCATTGTTTCACCAGCTGAT
GATATTCTATAGAATTTAAGAGCTAAACACATCCAGTAAATTAATTGAAAGCTCTTTGCGTTTGAGTTTGCCAT
GTGGCTGATCGATTCTATTGGGCTCTGAGTTTTCTAGAATTTACCCAACCTCAATAATTTGGTTGATCTGTTTGC
TATTTTATCGATATTACCCATCCTCTCTACCTAGTAATAGCTTGCTTCCTTCCATGTATGTTTTCATTTTGTGGTT
GCTCTTGTGTTAATTAGGCATCTAACTACTCTGAAATAAAGTCGGTCACATGGTTGGTTGCTTCCAGTTGGGTT
TTAGGTATCTTAAATGTCCACCAACCTTCTGTTTCGGTAGTCCGTAGTGATCTATTGTTTCGTAACCTTTCTCCCA
CAAACCATAAACTTAGCTTTAAATTCTGTTTTTAATTACTGTTTCCCAAATCTTCTGCCGATGGGGAAATTTTC
CTTATAATTTGTTATCGTGTGCTTTAACCAGGAAACATCTGCAGTTGCTCGACTAATCCATGGCCTTTGATCAGT
ACTTTGCGCAAGGATGGAAACATGTTTCTGGCACGGATCGAGAGAACTACAAGGGTTGTTTTGATTGTAACAC
TTGCTTAGACTTTGCCCATGAGCCTGTGGTTACTCTCTGTGGCCACTTATACTGCTGGCCTCGCATCTATAAATG
GCTTCACGTCCAGAGTGCCTCTCTGCCATTGACGAGCACCCGAGTGCCCTGTCTGCAAGGCTGATATTTCCC
ACACCACAATGGTTCCTCTTTACGGTCGTGGCCAAATGGCAGAGGAAGTCGAGCTTGAAGCCAAAGCAATGC
ATCGTGACATTAATATTCTCTAGACCCTCAGCTTGTGGTAACCAGATTCTCGCTACTCCCAGCACACACCAAC
AGCAACTTCCATATCGAAATCCTTACCAGCGACCGAACCATGACCCCTTCTTTTTGCCAATTATGAAGAACATT
CAGCATCACCTTTGCTAAACCTTGCAAGAACGTCATTCAGTAGTTTTCCACCATCCAGTGGTTGGGATGATCGGG
GATTTCTGTCA

>trans_s_1185 GQ292788|Gossypium hirsutum UDP-D-glucuronic acid 4-epimerase (GAE2) mRNA,
complete cds

TTCACCCACATCCTCCACCTGGCAGCTCAAGCCGGTGTTCTGTTACGCTATGCAAAACCCTCAATCTTATATCAAT
TCAAACATTGCCGATTTCGTGAACCTTCTAGAAGTTGCCAAACCGCCGATCCACAACCGCAATTGTTTGGG
CTTCTTCCAGTTCCGTTTATGGCTTAAACACGGAAAAATCCCTTCTCTGAACTCCACCGTACGGACCAACCCGCG
AGTCTCTACGCCGCCACGAAGAAAGCCGGCGAGGAAATCGCTCATACTATAATCATATCTACGGACTTTTAC
TCACCGGACTCCGATTCTTCACTGTATACGGTCCATGGGGAAGGCCAGACATGGCGTATTTCTTTTTACGAAA
GATATCCTCCAAGGAAAACAAATCGATATCTACAAAACCTCATGACGCGAAGGAGGTGGCGCGTGATTTACG
TACATCGATGATATTGTGAAAGGGTGTTTAGGAGCGTTGGATACGGCGGAGAAGTCAACCGGGAGCGGCGG
AAAGAAGAAAGGTCCAGCGCAATTGAGGATTTATAATTTGGGGAATACGTCGCCGGTGCCGGTGGGGAAATT
GGTGTCGGTGCTGGAGAATCTGTTGAATACAAAGGCGAAAAAGCACATAATAACGATGCCACGAAACGGCG
ACGTTCCGTTCACTCATGCGAATGTTAGTTTAGCGTTGAAGGATTTGGGTATAAACCGACTACGGATCTACCA
ACGGGGCTCCGGAATTCGTGAAGTGGTACGTTGGGTATTATGGAATACAGTCGAGGGTAAAAAGGAAAG
TGAGAAAAATAATAACTACTACCCGAGGAATCCGCTTGATTGGTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTTTCTTCC
GTCGTCATCGTCACATGGCCTTCGTCGACTTGTCGTTTGATCCTCTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTTTTT
TTTTTTATTTTTATTTTACTTATTATTATTGTTGTTGTTGTTATGGTGATTTATGCTGTAGAGGATCAAAG
GTATCCACAGCTGTTGTTTCATGTTGTAGAAAAAGAAAATAGATATAAGTTATATGAAAAATAATTTTTATAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1186 NM_127635|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT2G20710) mRNA, complete cds

AAGGAACTTAGGGTTTACAAGCGGTACAAACATGCTCTTGAGATGTCAAATGGATGAGTGATAAAGTATGC
CTTCCATTGTCGACTGCTGATATCGCAACACGGATGAATTTGATCTTAAGAGTTCATGGGTTGGAACAAGTAG
AAGATTATTTCAATAACATGCCTAGTAAGTTGAAAAGGTATCAAGTTCATATAGCTCTTCTTAAGTCTATGCC
CATGAAAAGTGTGTGGATAAAGCCAATGCCCTCTTGCAAGATCAAGGAATTGGGTTTTGCTACCACTCCTC
ACCCGTACAATATCATGATGAATCTTTATCACCAAATTGGAGAATTTGAGAGATTAGATTCTCTGATGAAAGAA
ATGAAAGAAAGGGGTCTTTATTACGATCGATTACATATAGCATCCGACTAAGTGCATATGCTACTGCATCTG
ATTGTACGGGAATCGAAAAGATTACGGAACAAATGGAATCAAATACAAGTATTGTTCTAGATTGGAAGTGT
TGTCGTTGCTGCAGATGCTTACTATAAAGTTGGCTTAATAGACAAATCCATTTCCATGCAAGAAATCAGAAGA
ACTCCTAGCAAAAACTGCCGAAAACAAATGTCATGCATTTAATATCTGCCTAACACTATATGCCAAAAATGGAA
AGAAAGACGAGACATACCGCATATGGAATCTCTACAAGAAAGAGAAAGTCTTCAACAAAGGTTTCATCAGCA
TGATAACATCACTTTTATATTAGACGATATCAAAGGTGCGAGGCGTATTTGCGAGGAATGGGAGACCCAGG
TATGGGAGACCCAGAACTGTCCTATGACTTGCGAATTCCAAACTGTTGGTTGATGCGTATTGTAGAGCTGG
TTAATGGAGGAAGCTGAAGTGCTTGTATATGAGATGATGACTGTAAGACGCAAGTTTTCGGTCAAGTCGTG
GTGCTACATAGCGAGTGGATATCTTCAGAAAGATCAACTACCTGAGGCTGTTGAGACACTGAAGATAACAGC
CAGTTTGTGTCCATCAAACTGGACTACGTCAAGGAAATTTGGCAGCATTTTGGATGGCAAGCAAGATGTG
GAAGAAGTTGAGAAGGTTGTTATTTGGTGAGGGAAAA

>trans_s_1187 XM_002325820|Populus trichocarpa vitamin-b12 independent methionine
synthase, 5-methyltetrahydropteroyltriglutamate-homocysteine (MS4), mRNA

ATCTCGTTGCGTGAAGCCTCCAATCATCTATGGTGACGTGAGCCGCCCAAAAGCCATGACCGTCTTCTGGTCTA
CCATGGCTCAGAGCATGACAGCCCGCCAATGAAGGGAATGCTACTGGCCCCGTCAACATTCTCAACTGGTC
TTTTGTTAGAGTCGACCAGCCAAGATTCGAAACATGCTACCAGATTGCTTTGGCCATCAAGGATGAGGTCGAG
GATCTCGAGAAGGCTGGCATTAAATGTCATCCAAATTGATGAGGCTGCTTTAAGAGAAGGATTACCTCTAAGGA
AGTCTGAGCATGCTTTCTACTTGGATTGGTCTGTTCACTCTTTCCGTATCACAACTGTGGTGTCCAAGACACA
ACTCAGATTCACACTCACATGTGCTACTCCAATTCAATGACATCATCCAATCCATCATTGATATGGATGCCGAT
GTGATCACCATCGAGAAGTCTCGCTCCGACGAGAAGCTCTTGTCAGTTTTCCGCGAGGGAGTCAAGTATGGTG
CTGGAATTGGCCCCGGTGTGTACGACATTCACTCCCCTAGAATACCATCAACAGAAGAGATCGCAGACAGAAT
CAACAAGATGCTTGCAAGTGTGCAAAACCAACATCTTGTTGGGTCAATCCAGACTGTGGTCTCAAACTCGCAAG
TACGCCGAGGTGAATCCTGCTCTGAAGAACATGGTTGCTGCCGCAAAGCTCCTCCGAAGTCAACTCGCCAGTG
CCAAGTGAATCAGTGGCCGAGGTTTATGAAGATTGAAGCAACATTCATCATTCCCTTATTCCAGTTATCCAGAA
AGAAGAGTATGTCTGTTTGTCTCCAATAACCGAGTAGCCGACATATTTAGTAGCCGTAGTTCATCTTTTGTG
CATTTTTTACAAAAAAGATTTGCATTTGATATTGGTTTTGATTTGAAGTTGTTTGTAGTAAGCTTTGTTGTT
CTTTTTTCAAGAGGCACCAAACTGCGATCTGTATCCAATTAAATGAAAAAGAAGACAGTATTCACAGTTTGT
GCAATTGTTTATGAACCTTTGTTTTCTAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAA
AAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans_s_1188 NM_121944|Arabidopsis thaliana pleckstrin homology (PH) domain-containing
protein / RhoGAP domain-containing protein (AT5G19390) mRNA, complete cds

ATTGCGAAGGAGGCTAGAGGAAATGCAATTTTACAAGCCAGCTTGGAAGAAGGAAACAAGCTTTGCATGAA
CGACGGTTGGCACTTGAACAAGATGTCTCAAGATTACAAGAGCAATTGCAAGCAGAAAGAGATCTTAGAGCT
GCTTTGGAAGTTGGCCTAAGCATGTCTTCTGGACAATTTAATAATTCACGTGGCATGGATTCAAAGACAAGGG
CTGAGCTTGAGGAGATTGCTCTTGTGAAGCAGATGTGGCTCGGTTAAAGCAGAAAGTTGCTGAGCTCCACC
ACCAGTTGAATCAGCAACGCCAACACAACATATGGTTCTTTATCTGATGCATGTGGCCGATATCAGCATGTTTCA
AATCATGGCTCCCACTGAGATTTCTCAGCAAGATTTTGAAGTCTGACACTCGCTTTTGTAAATCATGAAAGGAA

ACAAAGGAATGAGGAAGGTTTGATGGGAAGTGATTGGAGAAATATCAAAGGACAAGTATTAGGATCTGCCA
ATAGTAATAAACCAACTCCACGGAAGCTATTTGTGGATTCACTAAGCCCAAGTGA CTCCAAAAGCACCGAGGT
TTCAACTAGCATGTCTGTGGATGAACTTGCTGTTGATTCTGCGTCTTTGCCTTCTACTTCAAAAGCAGGAGAGG
TTTTGGATTACACAAGACATTCAACAGTGCCTTCCTCGACATTGGTAGAATTAACGACACGGCTGGATTCTTC
AAGGAGAGACGTTCTCAGTTGATGGAGCAGCTCCATAATCTCGATTAAATTATGGTGCATCATCTCACAAG
ACTTCATCTATAAACACCGCCATCTCCGCCATGGAAATAACAAACAAAGCTGAGCACATGCAAGTCTCTCTAT
ATCCACAATTAGTTCCAATCATCCATTTGTTGTATATCCCCCTCCTACACCTATATTGTAAGCAGCTTCATTGTGT
GTGCTTTTTTAGTATTTAAGTTTGGTCTTTCATGGGGATGCCATCTTTAATTTCAATTTCTCTCTTTTTTTTTT
CGCCTCCTTCTTCTTTCTTTTCTCTCCAATGAGGACTTTGGTTGGTTTTGTTATTATTGTATCTTCTACTTCAC
TTATTTTGCTTGATTTTATTGAG

>trans_s_1189 AY835928|Codonopsis lanceolata aluminum-induced protein (AIP) mRNA, complete
cds

ATTCCAATTCCCCATTTCTGCTTCGATTATATATACAAACTCTTAATTCATTTTCACTTCAAAATTACAAAGGA
AAATTTTGAATTTCTGAGATCCGGCCAAATATGTTGGGCATATTTAGCAGTTCGATCATGTCGCCGCCGGACG
AACTGGTAGCCGCCGGCTGCCGACTCCGTCGCCGAAGATATCGTCGAGGGCACTGGCAAAACGGTTCGCTG
ATTCCAACGCTGCCGCCGTTTCTCTCCAGATAGGCGACCACGTCCACCTGCCTTCACTACCACAACCAATCTC
CCTTGCGCCCCAGATCATTTGCGGCGAAGGATGAGATATTTTGTATTTCGAAGGAGCCCTTGACAATTTGGG
AAGCTTGAGGAATCAATACGGCCTTCCCAAATCCACCAATGAAGTTCTTGGTAATCGAAGCTTACAAAGCTC
TTCGTGATCGAGCTCCATATCCTGCCGACCATGTTGTGCGCCATCTCGCCGGCAGTTTGCCTTCATCTCTTCG
ACAACTCCACCTCCACTCTCTTCGTCGCCTCCGATCAGATCGGGAAAGTGCCTTTGTATTGGGGAATCACTGCG
GATGGATACGTTGCATTTGCCGATGATGCTGCTCTTCTCAAAGGCGCTTGTGGAAAATCCCTCGCTTCCTTTCC
TCAAGGATGTTTTTCTCTACTGCGGTGGGAGAATTGAGATGTTATGAGAATCCGAAGAACAAGATTACTGCT
GAACCTGCTCCTGAAGAAGAGATTTGGGGAGCAAAATTCAAGGTGGAGGGGCCAACTGCTGTTTCAGCCACA
GGTTTAGGGTTTAACAATTTTCCAATGGAGATTTATAGATCCACTTGGAGGAGAATGCAAGAATGAAAGGCT
TCTTTTCTTTGTTGTGGAGTAATAATGTGGTGAATGGTCTTTTATCTCAGTTAGGGCATTGTAAATATGAGTGT
TTTAAGGTACAAATTTGCTTGGTTTAATTCTAGACTCTTGTGTTTTTtaggCAAAGAGCAGAGCAATGTATATA
TCGCCACTACCATACCTGTTCTGTGTTTAGGCCTTTCTTTAATAAAAGTGTGCGTCTTTAATGTGTTCTAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1190 X99853|S.tuberosum mRNA for oxoglutarate malate translocator

TATACCACTGCACGACTTGGATCATTCAAGATTTTGACAAACAAAGCAATTGAAGCTAATGATGGCAAGCCCC
TTCCTCTTTATCAAAAAGCTTTGTGTGGGTTAACAGCTGGTGCAATTGGAGCATCTTTTGGCAGTCCAGCAGAT
TTGGCACTTATCCGAATGCAAGCTGATGCTACCTTCCAGTGGCACAACGCCGAAACTACAAAATGCATTCC
ATGCACTATATCGTATTGTTGGAGATGAGGGTGTTTTGGCTCTCTGGAAAGGTGCTGGGCCAACAGTAGTGA
GAGCAATGGCATTGAATATGGGCATGCTTGCTTCTATGATCAAAGTGTTGAGTTTTTCAAGGATAACCTTGG
TTTCAGTGAAGCTACAACAGTTCTAAGTGCAAGTGCTGTTTCAGGATTCTTTGCTTCAGCTTGCAGTTTGCCATT
TGATTATGTGAAGACACAGATCCAGAAAATGCAGCCTGATGCTGAAGGAAAGCTTCCTTACTCTGGCTCTATG
GATTGTGCCATGAAGACCTTGAAATCTGGCGGGCCATTCAAATTTTACACTGGCTTCCTGTGTACTGCATTAG
GATTGCACCACACGTCATGATGACATGGATTTTCTCAATCAAGTTCAAAGTTTCGAGAAGTCCATTGGACTTT
GAGGTTTCGAGTGACAATCTTATGGAACAATTTTTAACCTTCTTCAGAGGAGGCTATTGTTATGTTTCTTCTC
TTGACAGAAATCGCGCCCGTAAAAGTCAAAGACTTATTGCTATTACTATTGTTATTCTTTGTTACCACAAGATC
GTCGTAGTAGAGTTGAGGGACTAACTGTGTTTGTGAGTTGGGGTTCGATGGATTATAGGAGTGTTAGCA
TAAAAGTCCCATTGAAAATTTTGATTGATTTTAGTTCAGGAATCAGTGGGGGAAACATTGATTTGATAAAAA

ATAAAGGCTTGGGGGCAACAAAAGAGATGATGCTGACATCAATTTTGTAACTTGGTTGTCATACTTTTATGA
GCTGAGGTTTTTCCACCACTTCTCATAAACCATCAAGTTTTTATGCATTGAATTTGATATTTCTCTTAATATAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1191 FJ968438|Cucumis hystrix aluminum-induced protein mRNA, complete cds

GACACCATGTCCAACCTTCTCATATTTCCGCCTTCACCAATTCCTAAACAACCTCTCGTTTCTTCTTCTTTTT
TTTTTCTTTTTGTCTCTTTTTCCGTTAATTTGTTATTATTTTATTATTATTGAAAGTGAAGCCATGTTG
GGATTATTCAGCAGTTCATCATGTCCCGCCGGACGAGTTAGTCGCTGCCGGCAGCCGTACGCCGTCGCCGA
AAACCACATCCACCACTCTACTGAACCGGTTCTGTCCAAACCAACCCCTCCGCCGTGTCGCTGCAGCTCGGTGAC
CACGTCCAGCTTGCTTACACTCACGAACTGAATCCGCCTTATGCCCCAGATCTTTTGCGGTGAAGGACGACAT
CTTCTGTTTATTCGAGGGGGTTTTGGACAATTTAGGAAGCTTACATCAACAATACGGCTTAGCCAAATCGGCG
AACGAGGTGATTTTGTGATTGAAGCTTACAAGGCTCTCCGTGACCGGGCACCCCTATCCGCCAGCCACGTCG
TTGGTCATCTCAGCGGCAGTTTCGCCTTCATCGTCTTTGACAAGTCCACCTCCACTCTATTGTTGCTTCTGATC
GAAATGGGAAAGTTCGTTGTATTGGGGAATTACTGCCGATGGTTACGTGGCCTTTCCGATAACGCCGATCT
GCTCAAAGGCGCTTGTTGGGAAATCGCTTGCTTCTTCCCTCAAGGGTGTTTCTTATCTACAGCAGTTGGTGAAC
TGAGATGCTATCAGAATCCTAAGAACAAGATCACTGCTGTTCTGCTAATGAGGAAGAGATATGGGGTGCAA
CATTCAAAGTGAGGGTCTGCAGCTTTGGCGGCCACACGGTGAAGAGATTTTCTCATAGCAAAGGACATTTT
CATATATTTGTGTTTTATTTGTGGTTGAGAATGCAGATCAGAAGAGAGAGAGGGGGGTACCTAACAGACACA
GATGTGTTTATGTCTCAATTGGGTGTGTTTTTTTTTTGTGTTCTTTTTGCTTGTAATCTGATGTAAATCCCTTT
GCTTTTGGCGTAATAAAGTCGGTGACTTTGTAGAATTATAAATGGAACTTGAATTTCCACCTAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1192 XM_002863067|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata proton-dependent oligopeptide
transport family protein, mRNA

TTATGTGTTTATAAAACCTGAAGGAAGCATTTTTACTGGGTTAGCTCAAGTGGCTGTTGCTGCTTACAAAAAGC
GTCATCTTAACTTCTGATGATAGGAAGGGTTTTATGACCCCCCTTGGACCCTGCCTCTGTTGCTCTCTCAA
AGCTTCTCTCACTAACCAATTCAGTTTTCTAAACAAAGCAGCAATCGTGACAGAGAACGAGATAAAACCCGA
CGGAACAAGATTAAACAAATGGAATCTAAGTAGCATAACAAGTAGAAGAATAAAATGCTTGTTTAGAGTT
TTCCCAATTTGGGTAACAGGAATCCTTAGCCTAACTCCAATTATCAACAATCAACCTTCTCAATTTCCCAAGCT
CTTCAAATGAACCGTCACATGGGATCCAATTTCAAATCCCTCCTGCTTCCATAATCGTCATTTCTTCTCACCA
TCACTTTCTTCATCCCTCTCTATGATCGCTTCTCGTCCCAACTCTCCGTAAATTCACCGGACACCCGAACGGCA
TAACCGAGCTCCAACGCATGGCCATTGGCATAATCTTCGCCGTCTTTCCATGGTCGTTGCAGGCCTAGTCGAA
ATGCAGAGAAGAAATCAAGCCAACAATGATGGGTCTATAATGTCCGTCTTTGGCTCACTCCACAATTCTTCCT
AATGGGGCTTTGTGAAGCGTTAATATAATTGGACAAATAGAGTTTTCAATAAGGAATTTCCGGAGCATATG
AGGACTATGGGAAATGCTTCTCTCATGCTCTATCGCTTATCTAGCTATATTAATACGGCTATGGTTTTGATT
GTGCATCGAACCACGGACGTGGCGGCGCTCACGGCAAGCCCGATTGGTTGATAGATGATCTCAATAAAGGG
AGATTGGATTACTTTTATTACATAGTTGCTGCAACGGCGTTTTGTAATTTTTCTTTTTCTTACTGTGCTAAGA
ATTATCGTTACAAGGGTCATGTGTCCGACGACGAACAGGATTTGCAACTGTTGTTAGCTCCGACAAACTGTT
GGATGTTTGAATATCATCATTTGCTTAATAATTAACAGCTTATACTTATACTCTTTTTGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1193 NM_101692|Arabidopsis thaliana basal transcription factor complex subunit-related
(AT1G18340) mRNA, complete cds

ATTGGGAGCCGAACTGAGCGTCTTCTCTCCGTTGCCATTCTGAAGCAGCCATGGCTTCAGCTCCTTCGAAGCT
CTACGCAGATGATGTTAGCCTTCTAGTGGTTTTACTGGATACGAATCCATTTTTCTGGAGCACATCTTCTCTTCC
GTTCTCCAAGTTTCTGTCTCGTGTACTTGCTTTTCTGAACTCCATTTTAGTACTGAACCAACTTAATGAGGTTGT
GGTTATTGGTACTGGATACGCTTCATGCAAGTATTTATACTCAACTCGTCTTCTTACTCAAATCATGGCCTTGAAG
ATGGTAGAATGCCTGCACCTTGTACTCGTTTATTGAAGAATTTGGAGGAGTTTGTGATTGGGGATGAGCAGTC
CATCAAGGAAGATCCCAAAGGAGGGACAATGTCTTCACTTCTTTCTGGATCGCTCTCCATGGCCTTGTGTTATA
TACAGAAAAGTTTTCCGCTCTGGATCTCTCCATCCCCAACCAACGAATCCTTTGCTTGCAGGGATCCCCAGATGGT
CCTGAACAATATGTTGCAATCATGAATGCCATCTTTTCTGCTCAGCGTTCAATGGTTTCTATAGATTCATGTTAC
ATTGGTTCACACAATTCTGCATTTCTTCAGCAGGCCTCTTACATAACGGGTGGAGTTTATCTGAAGCCTCAGCA
AATGGATGGGCTGTTTCAGTATCTCGCTACTGTTTTTGGCACTGATTTGCATTCGCGACCTTCTTACAGCTTCC
AAAATCCATTGGTGTTGATTTTCGTGCATCGTGTTTTTGCATAAAAAAACGATCGACATGGGCTATGTCTGTT
CTGTTTGTATCTATATTCTGCAAGCATCACAAGAAATGTTCTACCTGTGGGTGAGTTTTTGGTGAGACACCT
GTAGAACTCGATTCATTGTCTAACTGAAAAGAAAACTCCAGAATGATATGACTTTGAACCATTTGTTTTAC
TTCTATGGCTATAGAAATTGTTCCATTTTCTTCCCTTCTTGAAGCTGTTGGAAAGTGGAATTCATTTGGTTCA
CTTGGCATGAACGGAGATGACTTAAATGATACAGTTGCTGAAAGAGTCAATCTCAACATTGTACAATTCAGAT
CAATAGTGGTCAATT

>trans_s_1194 AY429438|Gossypium barbadense fiber protein Fb34 mRNA, complete cds

AGATGTTGAGAAGTTCTTTTCTCTTCTAATTTTTTTGCTTCTTCTTCACTGTTTTCATATTCACCAGTGCAGAG
CTTCTCTCTGTTACTCATATAAACCCCAACCAGAAGAGAGAGACAGTACACAGAGAAACATTGCTGAATCTG
CTCAACAATTGAGTAGAAAACAGATAACAGGGCAGATCTGGGGAAATTAAGCTTTGGAGCACACAATTCCTC
AATCAATGGCTTCCAAATTGATTCTGATTATAGTTTTTGTCTTGATGTTATTGCTTTTGGCCTGGCTGTTGCCG
CTGAGCAAAGAAGAAGCACTGCTAACGTCGTGCAAGATAAAGAAAAGGACTACAATATTGTGTGTATGATT
CTGACGTCTCAACAGGCTATGGAGTTGGTGCTTTTCTACTTCTCATGGCCAGCCAGACCCTCATAATGGCAGCT
AGCCGATGCTTTTGTGTGGAAAGTCGTTAAGTCCTGGAGGTTCAAGGGCATCGGCTGTTATCCTATTCAAT
CTGCTGGGTGTTTTTCTTATTGCTGAGGTTTGCTTGTTTGCGGGTTCAAGGAATGCCTACCACACCAAGT
ACCGAACCATGTTTCGGTGACAATCCTCCATCATGCCGAACCTTGAGGAAGGGAGTTTTCGGTGCTGGTGCAGC
ATTCATTTTCTCAATGCAATTGTATCAGAACTCTACTATGTATTCTACTCAAAGGCAAGAGAAAGCTTTCTTCC
ATACGGCGGAGAACTGGCGTTGGCATGGGAACCTACAAATGAGTGAATGTTTAGTCAAGCTTAATAGGTTA
CACTTAAGCTTCCATCGACATTCCCAGGACGATTTTGAAGATAATTTACATATCAACTACTGGTTTTAGTTAGGA
AGAAATGTCAGTATCATAATTTTTACTGTGTAGTTATTTTAACCAGGGCTGCTGGGCTTTTTTCTTTTTCATATT
GGGTGGATTGTTACATTTGTATTGACAATAAGAGACTTCTACAAATAGTTGTATTTTTATGAGACCTCAGTG
ACATATATGTTCTTGTGTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1195 NM_117821|Arabidopsis thaliana RABB1C (ARABIDOPSIS RAB GTPASE HOMOLOG
B1C); GTP binding / GTPase (RABB1C) mRNA, complete cds

AACACAACACACACTAACCTCCCTTTGCCTTCCCTCCTTGGAACTCCGCAATTGAACTCCACCCTCTTTACCGT
TTCTCGACGTTTCCCCATTTTCTTCCACCCATCCATCCCCCTCCCCCTTAATTCCTTTTCTGTTCCCTATTCTT
CCATTTCTCTCCCTCCCCTCTCCTTTTCTTCTCGATTCCACCTTAATATGTCATACGCCTACCTTTTCAAGTA
CATCATCATTGGTGATACTGGAGTTGGAAAATCATGTCTTCTTCCAGTTTACCGATAAGAGATTCCAGCCTG
TTCATGACTTGACTATTGGCGTAGAATTTGGTGCGAGGATGATTACCATTGATAACAAACCAATTAAGTTGCA
AATTTGGGACACGGCTGGTCAAGAATCTTTCAGGTCTATTACGAGGTCTACTATAGAGGTGCTGCCGGAGCA
TTGCTTGTCTACGACATCACCAGGAGGGAGACTTTAATCACTTGGCTAGCTGGCTTGAAGATGCAAGACAAC

ATGCTAATGCAAACATGACAATAATGCTGATAGGTAATAAGTGTGATCTTGACACCCGAAGGGCTGTCAGCAC
TGAGGAAGGGGAGCAGTTTGCAAAGGAGCATGGTTTAATTTTTATGGAGGCCTCTGCTAAACTGCTCAAAA
TGTCGAGGAGGCATTCATTAATACTGCTGCAACCATATATAAGAAGATCCAGGATGGAGTGTGGATGTATCT
AATGAGTCGTATGGGATAAAAGTTGGATATGGTGGGAATCCAGGGCCATCAGGAGGTAGAGATGGTGCTAC
AGCTCAATCTGGGGGTTGTTGCAGCTAAATCTTGCTGCTCAATATAGTGTATCAACTTTGATGTTCTCTTTAAAT
TCCTTCGTTATCTATGAGTGCCAGAAAACTCCCCCTCCCCCTCAAAATAGAAGGAAAAGAAAAAGAATGAAA
CCGATAATAGGTTATCAGGTATTTGTATAATCATTTGTTGTGTTCTGCTTTTTTTCTTCTTTCAACAAAGTTAA
TTATGTCTTCATCATATTTGATTGTAAAGATAAATTCATATTAATGCATGTTATTGGTGACCATAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1196 NM_121866|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT5G18610) mRNA,
complete cds

TTGCTTCACCCGAATCTTGTTAACTTGATAGGCTATTGTGCTGATGGGGACCAACGTCTTCTTGTTTATGAGTTC
ATGCCGTTGGGTTCAATGGAAGATCATTTGCATGATCTTCACCAGATAAGGAGCCCTTGATTGGAATACCA
GAATGAAGATTGCAGCTGGTGCTGCGAAAGGATTGGAATATTTGCATGACAAAGCAAACCCCCCTGTTATATA
TCGAGACTTGAAGTCATCTAATATTCTTCTTGACGAAGGCTACCATCCCAAGCTGTCAGATTTTGGTCTTGCAA
AACTGGGTCCAGTTGGTGATAAGACTCATGTCTCAACGAGAGTGATGGGAACATATGGTTACTGTGCTCCAGA
GTATGCCATGACTGGCCAACTCACTCTCAAATCGGATGTATATAGTTTTGGAGTTGTCTTTTAGAAGTTATCAC
AGGACGCAAGGCAATCGATAATACCAGAGGTCCAGGGGAGCACAATCTGGTTGCATGGGCTCGGCCACTTTT
TAAAGATCGACGGAAGTTCCCTAAGATGGCTGATCCACTATTGCAAGGTCGATATCCCATGCGGGGCTTTAC
CAGGCATTGGCAGTTGCAGCAATGTGCTTGACGAGCAGGCTGCAACAAGACCTCTAATTGGGGACGTTGTT
ACTGCTTTGACGTATTTAGCTTCCCAAATTATGATCCTAATGCAGCTGCTTCTCAAAGCAATCGAATGGGTGG
TTCTACTCCGCGAGCCCGAGATGAACGAAGAGGTTTTCCAGATGGACTGGATAGCCCTGATGAGCGTGGACG
AGGACGTGGTTCCCATCGAACTACAGAAATTCACCTGATTACCGAAAGAAAGACTTCCATAGGGAATTGAGT
TGTGGAGGTACAGAGCTGAGCAAAATTGACACTGGAGGTGGATCTGGTCGAAAATGGGGATTGGATGAGCT
AGAACGACAAGAATCTCTGCGAGACAGTCCTGTATATGCTGGGAGAGCAAGGGAAACGCCAAGGAACCGCG
ACCTAAACAGAGAACGTGCAGTTGCAGAAGCAAAAGTATGGGGTGAAAAGTGGAGAGAGAGAAAGAGAGC
AAATGCGCAAGGCAGCTTTGACGGTTCACAAGAATGAA

>trans_s_1197 NM_001055987|Oryza sativa Japonica Group Os03g0228500 (Os03g0228500)
mRNA, complete cds

AAAGCTATCTTTGTAGGGCAAAGACGATCACGACAATAGAAGACACGTAGACCTTCGAAGCTTGAAAGAAA
AACACTGATTGTTGTTAATGGAGGTCGGCCCCAAGATTAGTGGAAGCTGTTATTGAAAAGCTCAAGGATG
ACGGCGACTTCGACAACTCCGTCTCAAATCATTCGCAAGCTGAAAAGATAATGAAGAATTGCGCAATAATAT
TGTTGCAATAGTGAAGCAATCGGCAGCACTTAATCGGGCAGGAAGTGAAGTGTGAAGCCTCGGCAAATTC
TGATGCGATATATGATGAGGTTGGGGAAGAAATAATGAGCAAGGTTTCTGATAACTTATGGGAGATAATCAG
ATCAGCTGATGGCATGAAAAATGAAATCACTGAAACGGTGCAATCTGTCTACAATAAGTTAGCGAACCCGAAA
GCGGAGGAAAATGCCGAAGCATCTACCCACCATGCTGTACCAGTTTGAAGGAAGGTGATAATAATGTTTCT
ATGAAGGCCTCCACAGTCAGTTAGAACATTCTGAGGCTGATCCGGAAGAACCTCCCGGTTTTCTTTTGCTGG
TAATCATACAAACAATGGAAAGCAGCACATAGAGGATCTGCAATTTCCAAAACATCGTGAAGGAAGACACAG
CAACGATAGTCGAACTTAGAGGGACATAATCCAAACAACGTGTCTGATGCAGATAATGTTGATCTGCCGCCA
GGCTTTGTTTCAAACAGGAAGCACAACCCAGATGTTGATGATGATGAAGACCCAGATGTTCCCCCTGGCTTCG
GTTGAAAACTAGATTTTATTCGGTTTTCTTCTATTATGCAGTCACCAGTTTTGAGCATATAGCAACAAGTAT
TTGATCAAATCTTGTTGCTACATGATGAACAAAGTCGGGATTTAACAAGTATCATCTCGTCTCCCATGGTT

TGTAATGGATGCAGGTGATGGTTATAATGTATAAAGTCTGAGTTCATGTGGATTGAATTGTGAAACACTATG
TTGAGAATAGAACGTAGTTCATATATAAGGTATAAGATGTTTGATAGAAATATCTAACCATACGAGATGTTTCT
GTTATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1198 XM_002889656|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata non-photochemical quenching 1
(NPQ1), mRNA

TGCCACGATCCACTGAGATTCAGCCCTTCGTCGCTCCGATCTAGCTAAGGTTAATCGTCGAGATTCTACGGCGC
CCCCAGTCTGAACCACAAGTCCTCATTGTTAAAGATTCGTGGGGGATTTAGGTGTCTTGTGGCGTTTCGCAAG
AGCGTTTTTGGAGTAATATTGTCATATCTGACTAACGATACCAAATACCAAATTTATTTTGATTTGATTGAGCA
AACAGTACTGGCTTAATTGTACTGAATGAATATGTTACCTCCCTCCTTTGACTTTGATAAGTGTATTTCTTC
CTAGGATCTTGAGTTGTGGTAGTTTATTAAAATATAAAGTTGAGTTGGGTTTTAGTGCCGTTAACACCGAGTT
TAATCATACTCAGATTATCATTGATGTGTGTATAAGGATGGTTTTGATCAGATGTTTCTGAATATGTTACCATTA
ATGTGAGTCAGGGAACCAATTTACTGTCTTGAAAAACAAGGATGGTTGACTTGCTGCATTGTTTACTGGATAT
GCATGAATTGTTGATTGATTGTTTCAGAGCTTTCAAACGTATGTTTGCCTTGATCGAAATTTAATTAATTTCT
CATTCTCCTCAAATTTAACAATTATGCTATCTTTGTTAGTATGTTTTCTCATTGAATAGAAGTCATAGGTCAGA
ACTAATATTATAAAAAGATAAACTGTTTCAGAGCTTTCAAACGTATGTTTGCCTTGATCGAAATTTAATTAATTT
TCCTCATTCTCCCCAAATTTAACAATTATGCTATCTTTGTTAGTATGTTTTCTCATTGAATAGAAGTCATAGGTC
AGAACTAATATTATAAAAAGATGAACTAAAATAGTGAATTCAGTGACACTTCTCGAAATCTTGTTCCAGTGTT
CTTAATTATTATGTCCTGGTAGAGAACTACAATTTCTGAGAACTTAATTGTAATGAATCCTTACCGTTGTGTTA
TTATTTATTATAATAAGTTTCGTTATACAAATGCTTCTTTTTCAAGTAATATTATTACATGTATATCCANAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1199 NM_001059532|Oryza sativa Japonica Group Os04g0461600 (Os04g0461600)
mRNA, partial cds

ATTATTGACATTTTCTCTCTTTCTTCAAATTAATATTGGCACATCCACGTAGACCGAGTCTTGATTTTAATTT
TTAAAAAACTCTCTCTCTACATCTTCCTTCTTTGTTATAACACACAAAAACAATCACTATATATTGGAGTATAC
AACAATTTCACTGCCCACACTTGTGTCCCAAACCTTAGTTCAATTTTGGTTTACTCTTTTAAATATCAAAAGATG
GGCAGCGACGATGGTTTTCTGACCAACTCCGACAACGAGTCGCCATGGTCCAGCGGCCTCTGTGATTGCTTCT
CCGATATGGGATCATGTTGCTGTACAACATGGTGTCCATGTGTGCCATTTGGGCAAGCCTCAGAGATCATAGA
CGAAGGATCAACTTCTGTTTTGTTAACGCATTAATCTTTGTCTGATTGCTTCCTTTACGCCCTGTATTTGCCTT
TACACTTGTTCTTATCGATCTCGATTGAGGAGAAAATACAACCTCAAAGAAACACCATGCAACGATTGTTGTGT
TCATTGTTGGTGTGGAGTTGTGCTATGTGTCAAGAGTATCGTGAGCTTAAAAACCGAGGTTTCAACATGCAT
ATCGGTTGGCAAGAAAATGTGCAGAGACAAAATAAGGGAATAGAGATCCACCTACTGTCCCGGGACAAATG
AAACGTTGAAGTTAATTAATGCAAGTGATGGTTCTCCCTCCTTTGTATTTGCCCTTGAGTTCAATAATGTGTG
GAATTATGTCTTAATCTTTGTGTGATTAACCATATTAGTTAATCTGTATTCTTTGGTTTGTCAATTATTTGTTT
CTTGATTTAAAACCTGTGAGAAAACCTCTCCCTAAATAAATAATTGAATAAGATTTTCATTTGTTCAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGC
CCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTACAAACCCCCACCCCCGGGGGGCCCCGGACCCCATCCCCCAAAAG
GGAGACATAATACCCGCCC

>trans_s_1200 XM_002889668|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata prenylated rab acceptor family
protein, mRNA

ACCATCAGCCCAACCTTCGCTAACTCCATTTTCTCTCTCCAAAACCCATTTACAAATTCTTTCCTTGCCAACGCTT
GATCGGTTTTGGGATTTTTCACAGCTTCTCCAATGTCCTCTAATCAGCCATACCCATATGGCTTCACTGAAACTT
CCATTCTATCACGCGCCAGAGCCGCCTCCGATTCCGTTTATGCCACTTTACGGCCATGGCGGGAGCTTCTTCAG
CCGTTATTGTCCTTTACCCGGCCTTCATCCGTTGGGGAAGCGATTATTCGGTGTAAGCGTAATCTCAAGTACTT
TCGTGTTAATTACACCTTCATCGTTTTGCTCATTCTTTCTCAGCCTCCTCTGGCACCTGTTTCGTTGATTGTAT
TCTTGGTCGTGTTGTTGCGTGTTCTTCTTTATTTTTCCGGGATGAGCCGTTGGAGGTGTTAATCGTGTTG
TCGATGATCGAGTTGTGTTGGTTCTGCTTGGAAATTGTCACGATTTTCGCTTGGTGTTGACGGATGTTTCGTTG
AACGTATTGGTTTCGATTTTGATTGGGGTTTTCTTGTTTGGTACATGCCGGCTCTAGGGTTAGTGATGATT
GTATATTGACGAGCAAGAAGTCGCTGATGGAGGATTGCTTTCGGTTGTCGGCAGTCCGACTCGAACAGAGTA
CAGCCGAATCTAGATAAATCACTGATTCATTTTGCTAGGTTATGAATTATGAATGATCGTCTCGCCTAAGTTGA
TTCAAGTTCTTTGTGCTACAATTGAAATTCGAACGAGCTCTTAGAGACCAAGTTTTCTCTCTAGCGTTCACTT
GAAGATTCGCGTTTGATGCCACTGATTGTTTCAGCGATGATTTTTCAATTCAATTCAGGGTTTTGCTTTTGT
AATGTTTGTTCAAATGTTTGAAGTTGTAGTTTTAGTTGATGGTAGCGATATACAGAGTTTTGCTAGGTTAAAT
CGTGGATTTTATTCCAACATTACTTCTATTTGTGTGTGATTATGAAGGGGGTTGCAATGTTTTGGGTTTCGTTG
TTCTTTACTTCTGGAAAGAAGAAATGGTAAATAGTGGATCTCAATTTGTTCTGTAACGTTCCGTTAAGATATTC
TATATCTGC

>trans_s_1201 NM_001048674|Oryza sativa Japonica Group Os01g0170300 (Os01g0170300)
mRNA, complete cds

CGACCTTTCAATTTCTGACGTGGCAAAGAACTGACAGCTGCCAACATCCTCGGTCTGGCCGATCGGGCGTC
GTTTACCAGGTCAACATCGCTCCGGGTTTAAACATCGCCGTCAAACGGTTCAAGACATCGGAGAAATTCGCCG
CCGCCGATTCTCTCCGAAATCTCAACTCTAGCCAGTATCCGACACCGGAATATCATACGATTGCTCGGTTGG
GCGGTCAATCGTAAAACGAAATTGTTATTCTATGACTACTGGCCACAAGGAAACCTCGGCGGTTTGTTACACG
AGTGCAGCGCCGGCGGGTACGTAATCGGCTGGAATGTTGCGTTCAAGATCGCGATGGGATTGACGGACGGA
TTGGCTTACTTGATCAGACTGCGTGCCGGCGATTTCGCACCGGGACGTGAAAGTCCAAAATATACTATTGA
GCGACGAATACGACGCGTGCTTACAGATTTTGATTGCAAGGTTCACTGAGGACAATCTAAACGAATCATC
GTCGGCAAATCCGCTATTCGTGCGATCTTACGGTTACATCGCACCGGAGTATGGTCATATGCTGAAAGTAACA
GAGAAGAGCGATGTGTATAGCTACGGAATCGTTCTTAGAGATGATTACCGGTAAAAAGCCAGCGGATCCT
CCATTTCCAGAAGGCCAACACATAATCCAATGGGTTCAAATCATCTACGCAGCCAGAACGATCCAATCGAGC
TATTGGAGCCAAAACCTCAAATCCATCCCAACGCCGAAATTCATGAAATGCTTCAAGTCCTCGAAATCGCTCTT
CTATGCACCAATCATCGCGCCGACGATCGGCCTATGATGAAGGACGTCGCTGCATTATTGAGAAGAATTCAAA
CAGAGTCTACGATGATGAGGATCAAGGGAATCAAACCTGTTTATAGATTGAAGAGACTCGAAATTCATCGTA
TTAATCCTTCTCAACGCGATCGCTCCTCTTTTGGTTACTCATCTTCTCCAGATAATCACATATTGGTGACC
TAATTCCAGAGCTTCGCGCGCTAAAAATGTTTTGTTTAAATCCTAATCTTTAAATCTTATTTAGTTTCTTTCA
AAAAGGAATTTATATATTGGTCCCCTA

>trans_s_1202 AF119050|Datisca glomerata zinc-finger protein 1 (zfp1) mRNA, complete cds

ATCACTCCAAAACACACACTTTCAACTTTCAACTTTCAACTTTGCCCCAATTCTTGATCTCGTTTGTTCCATCAGC
TTTACATCTTCTCTAATGGCTCTTGAAGCTCTGAATTCTCTACAACCTCCATCACCAGCTCTTCACTACGAC
GACCCAAGCCTCAATTCATTGAGTCTTGGTCTAAGCGGAAGAGAACTAAGCGTCCACGTGGATTTGATAACC
CTCCTACTGAGGAAGAGTATTTAGCCTTATGTCTCATCATGCTTGCTCGTGGTGGCGCAACCGCTACTTCTGAT
TCTGATCACCACTTGATTATGAAGTTCCAATTCCTGCTCAACCCATATCTGTTGTTAACTTAGTTACAAGTGC
TCTGTTTGTGACAAAGCTTTTTCTGTTATCAAGCTTTGGGTGGACATAAAGCTAGCCACAGAAAATCAGCTAC
AGGGGAAGATCAATCCACTTCCTCCACCACAACCTACTTCTGCCACCGCTACTGCCACCGCTCCGTCGCTGGAG

CTAAATCCCACCAGTGCTCTATTTGTCACAAGTCTTTTCCACCGGTCAAGCCTTAGGCGGTACAAAACGTTGC
CACTACGACGGCGGACTCAGTAACAACAACAATCACCCACATAGTCATCATAACAACAACAACAACAACA
ACAACGCCACTGCGGCCGTGACATCGTCCGAAGGAGTTGGGTCTACTCACACACAGAGTCACAGCCACCGTG
ACTTTGACCTTAACCTCCCAGCCTTGCCGGAGTTATCACCAGGATTCTTTATCTCTGCCGGGGACGACGAGGTT
CAAAGTCCATTACCTCTGAAGAAGCCTCGTATATTAACAATTCCTAAAATTGAAGTTTCTCAAAATTAATCAACT
GGGAATCATTTAGTTCCAGAAATCTTAGAGAAAAGAAACAGAATTTGTTTGAATTTGTTTGTAGTAGGTGAT
TTGTTTGTGTGTAAATAGAAGGAAAGTAGAGATTAGATTATAACCCCCACCCACCATTTACAACCCTTTGT
GTTCTACTCGTATACCCACTATTGTTCTTTGAAAGTTCATCCCCATGATAAATTCAATTGATTA
AAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1203 AB014457|Pyrus pyrifolia mRNA for senescences-related protein, complete cds

AAATCTTAATTATTTCTCTTCCTTAAGTGTTTTGAAAAGTTGTCAGGGAATAATGAATAATTAATCTCATCATT
TCGTCATCATCATCCATGAATATTAATGATTACTTTGTGTAAATCCAAAAGGAAGTTGACGAGGAGGATTCT
TCATACCCCACTTTCCATTGCTCTTGATTCAACATTACACCTCAGATTCATTACCCTTTCTTCTCTCTCTCT
CTGTTCCACTCCAGAATTTCTAGTTACAACAGAGCTCCAGTTTGTTGATCCATGGCGTCCTCAACCTTACCCAA
TTCAGAACTAAAAACCAATTCCCAACCTCGCTCTGAATCCGTCGCGGACGGGTTGACTCGACCAACTAGACT
TGGGTTTAGAGTGTTGCCTCCGGCAAGCCTCAGGCGGAGCCGATCTCAGTGTGACGGTCAATGGGTTGAA
CATGCCCAACCCGTTTGAATTGGGTCCGGTCCGCCAGGAATACTATACGGTTATGAAGAGAGCATTGAT
GAAGGTTGGGGGGCTGTGATTGCCAAACTGTGTCACTAGATGCAGCAAAAGTTATAAATGTAACCTCTAGA
TATGCCCGGCTACGAGCGGATTGAATGGCTCTGCAAAGGGGCAGATTATTGGGTGGGAGAACATTGAATTG
ATAAGTGATAGGCCTCTGAACTATGTTGAAAGAGTTCAAGCAGTTAAAAGAGGAGTATCCCGATAGGATTC
TTATTGCTTCAATAATGGAGGAGTATAATAAAGCTGCTTGGGAAGAACTTATCGATCGAGTCGAACAACTGG
AGTTGATGCGTTTGAAATCAATTTCTCATGCCCTCATGGCATGCCGAACGGAGAATGGGTGCTGCAGTTGGA
CAAGATTGTCACTTCTGGAAGAAGTTTGTGGATGGATTAATGCAAAGCTACAATACCTGTTTGGGCAAAAA
TGACCCCCAATATCACTGACATTTACAGCCTGCAAGGGTGGCTCTGAAATCAGGATGTGAGGGAATAGCAG
CCATCAACACGATCATGAGTGTAATGGGGAAATTGATCTCAAAAACCTACGTCCCGAGCCTTGTTGTAAGGGG
TATTCAACTCCAGGAGGCTATTCT

>trans_s_1204 NM_113489|Arabidopsis thaliana LTA2; dihydrolipoyllysine-residue
acetyltransferase (LTA2) mRNA, complete cds

CTGAGACTGAAGAGGAAGTCGCTGAGGCTAAGGCTAAAGCTGCGTCTAATTCCACTTCGGCTCCTGCAGCTCC
CGCGGTGCTGTTTCTCCCTCTCCTCCCCCTCCCTCTTCGAGTCTGCTCCGGCAATATCTCAGCCATCGCCTCC
GTCGGATGGACCAAGAAGATTGTGGCTACTCCTCAGGCGAAGAAGCTAGCCAAACAGCATAAGGTGGACAT
TGGATCGGTAACCTGGTACTGGTCCATTGCGTGAATTACTCCCGCGGATGTGGAGGCTGCCGCTGGAATTGCC
CCTTCGAAGTCTGCTGTAAGCAATGTAGCTTCACCCGTGGCTTCTGAGGCTGCTTCAGTGGCTGCCGCTGTTCC
ATCGAAAGCTTCAGCAGCTCCTTCCAACCTGCCTCCTCCAGTTCCAGGCTCGACGTTGTGCCCTTCACGACAA
TGCAGGCGGCGGTGTCTAAGAATATGGTGGAGAGTCTCTCTGTTCTACATTCAGAGTTGGCTATCCGGTGT
CACTGATGCTCTGGATGCGCTCTATGAGAAGGTGAAACCAAAGGGCGTCACAATGACTGCCCTCTTAGCCAAG
GCTGCCGCAATCGCCCTCGCTCAGCATCCAGTTGTAAATGCAAGCTGTAAAGACGGGAAGAGTTTACGTATA
ATAGCAACATTAATATTGCAGTAGCCGTGGCTATCAACGGTGGGTTGATAACACCTGTTCTTCAGGATGCAGA
CAAGTTGGACCTCTACCTGCTGTCTCAAAAATGGAAAGAATTGGTTGAGAAAGCTAGATCCAAGCAGCTTCAG
CCCCATGAATACAATTCAGGAACCTTTACTCTTTCCAATCTGGGAATGTTTGGAGTGGACAGGTTTCGATGCTAT
ACTTCTCCTGGCCAGGAGCTATCATGGCCGTTGGAGCATCAAAGCCTACTGTTGTCACTGATGCTGATGGC
TTTTTCAGCGTGAAAAGTAAAATGTTGGTCAATGTGACTGCTGATCACCGAATAGTTTATGGTGCTGACTTGG

CTGCCTTCCTTCAGACCTTGCAAAGATAGTTGAGAATCCAGAAAGCCTGACCTTGTAGAAAGTCTTTATTTGCA
TGTTTTGAGATCAATTAACCTTGAC

>trans_s_1205 EU373060|Gossypium hirsutum gland development related protein 70-like mRNA,
complete sequence

AAAGTCACAAAATTGCTTCTACAAAGAGAGTTTAGATAAAAACTTTAAAAAACCCCTCACCTTCTTCTCCTTCTTC
CTCACTCTCACGACGTTCACTCCCCGCGAATACCGAGTGGCGCGAACTCCGGTCGACGGCAAACACGATTTTA
GTTCTAGAGATAAGATGCTTCCATAGAACTCAACTCACTTCCAGAGGACACAATAGAGAAAATGCAGAAATTG
GGAGATTTCAAGCTACCGCATTTCTTCAATTATCCTCCATATTTCACTTTGCAACCAGTGAGGGACACCCGTGA
GAAGCAAATTCAACTTTGGAAGGAACTTATCCTTGATTACTGCCGAACGCAAAAGATATTTGTCATTGGACTTG
AAGAGGACTTTCCTCTATTTTCAAATTCTGTGATTGAAAGATCTCTCAGTCATGAAGCTAGACAAGCTTTTCTCT
CAGCTTTAGTTTCAGATGGTCGTGCAGAATGGCTGGATAAAGGACATAGGAAATGCCTTATTTTATGGCACCG
GATTCAAGATTGGGCTGACATCATTTTGCACCTTTGTGAAAAATAATGGACTTGAAGATAGTGTTATGACAGTC
GAGGAAATACGTTGAGGAGTTGAATCTAGAGGAACAGAGCTTCAAGGGATCGATCGTACGATATTAATGAGA
GCATTGAAGCTACTTGAACAAAAGGGGAAGCTTGAATTTTCAAAGGTTCTTCGACAGATGATGAAGGCATTA
AATTCTCTGTATAACTAACTACCAATGTTTATTCACATTCCTGGCAATCTTTCTTTTTTCAACACTTCTAAATGC
AACTTTTCATTTAGTTTCCCCCAATTCCAATGAGGATTTGGGATTATAGGTTCTTGGTGCAGTTCTTTGAATG
TAACCAAGTGGACCTCCAATAGAACTTAAAAGTTAAAAGGACCTAAGCTTGGGGGTGAGGATTAATTTTGTG
ATGTCGATATTGATATTGAGGTCTCAAACTTACATATATATCGACACATGGACATGTATTTTCATCCTTTCTTAA
GAGTGCTTTGAAAAATATTTGTTTTGTATTGTTAAAAAAATCTAAAAACAATCATATTATCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1206 Z97337|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 2

ATACTAAACGACTTCTCCTTCCACTGAGCTTCTTTGTTGAGTCACAGCTTCATTTGTTGTTGAATACTTCTTGGTT
TAGCAGATTGCGTCCATTACCAATTCTGGGGGATTTACGGTTCTCTTGGCATAATGGCTCGGACGCAATAGC
ATTAATGTGGCCATCCTGATTGATGGTTAGCCTCAATCCCATTTAATCCTGGAAACACCACAAACATTTTGTCTA
AAGCAACCTTTTTTTGTACCCCTTTTCATGTTTTTTTAAATGTTTTGTTCTCATTTGGGTAGTTGGTCACTGTGTA
TGGAATTTGATACAATTTAGGATTTGATTATGGATTAGCTGTACTTCATCATTTGGAGTTCGGTTCATTTGTGAT
TAGTGTTTTGGACATGAAATATGCATCTGAGCAAGTGATGATTTATATTCAACAAAGCTGATTAACATGTGAA
GTTTATTAATTCGAGCTTTTTAAACTGATGCTCAGATAATATTTCTGTTCAATACATAGAGTCGAATTGAGTA
GCTAATAATTTTTAACTAATGATAACTTTGAAAGTGATCAGCAACAGGTGAGCTTGTTTTGAAGCAAAAGTG
AAATTCCTGCTGTGGCATAAGGCTAACATCATTCAAATGGCAATGTTATTTAAGATCTTTGTGGAGCTTGTTGA
AGAAGCGAGCAAGCAATTTGAAAGCCTAAATTAGTAATGCTGCTAACTCATGAAGAACATTGAGAAATAGG
AATTTATGCATATGGTTTTATGTTTTGAGGTAGTGTACTGAGACCTTTGAAACGTGTATCATCTGTGGTTATA
AATCACAATTTTGAGTCATTTAAGGACGAAGTTCAAAAATTTTCGACCGAACAGAAAGAAATATCAATCCTTTA
GAGAATACACTCCATATTCGTTCTATAATTCTGTTTGTTTCAACAATGATGAATCATATGTTATCGAGTTCAAA
AATTCTGGCTCATGTTGTAGCTCTGTACAAAAAGTCCCTGAATAAATGGTATGGAATGAAACAATCATCCAG
TATTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1207 NM_121356|Arabidopsis thaliana KEG (KEEP ON GOING); protein binding / protein
kinase/ ubiquitin-protein ligase (KEG) mRNA, complete cds

TAGGACAGATGGTTCAGGTTAAATCATCCATAAGTCAGCCAAGATTTGGTTGGTCAGTGACAGTAGTGCTAG
TGTTGGAATGATATCAGCTATTGATGGAGATGGAAAGCTCAAGGTATATACTGCAGCTGGATCTAAAGCTTGG

ATGCTAGATCCGGCTGAAGTAGAGTCTGTACAAGAAGAGGAATTTTCATGTCAGAGACTGGGTTTCGAGTTAAG
GCTTCTGTTTTGACACCGACCTATCAATGGGGAGATGTGAATCATTTCGAGCATTGGGGTGGTTTCATCGCAAGG
AAAATGGGGAGCTTTTCGTTTCATTCTGCTTCATGGAGAAGAAGCTGTGGCTATGCAAGGCATGGGAAATGG
AACGGGTGAGACAATTCAGAATTGGAGACAAAGTGAGGATTAGAGAAGGGCTTGTGACCCCCGTTGGGGA
TGGGGGTATGGAGACTTATGCAAGTAAAGGCCAAGTGGTTGGAGTTGACGCAAATGGGAAGTTGCGGATTA
AGTTTCGATGGAGAGAGGGTAAGCCGTGGATCGGAGATCCTGCAGATATTGTTCTTGATGGGAACCTAACTGA
TGAGGAGACTTCGCCATACCCTTGGTGCCATATGTTATCGATCTTAAGGTGGCTTTTGAGCCTAATGGCTTCAA
CTCCTTTAGCTCTGTTTTTGCTGCCAAAGCAAAGCCATTCCATCATCACACTAACACTGTGCATAAGAGAACGC
CCTGGTAATATGAATATAAGTTGCATGGCACCACAGACGGATTTATTATCGTTAATAACCCAGGATGTAGGGT
GGACAAGTAGAGAAGAAGCCTGAAGGGAAGGCATGTAAGTACTTACCTTATAATCATAGATAACACAAGGA
GAGGTATGCGGATAGGTGAGATTGCTACACCTATCTACCCCTTGTCTCATAAACAATATATATAGCAGCAGG
TTTTCTTACCGAGTTCCAGGTAAATATATATATATGTATAACGCTTGATTGGTATCATCATTGTACAAATTGAA
CACTAATATTTTTAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1208 AY062446|Arabidopsis thaliana ATP-dependent RNA helicase-like protein
(At3g58510; F14P22.100) mRNA, complete cds

CTGGATCTTCCACTATTTTTGCGACTTTTCAGATTTGGCTGCAAGCTCGGCTGCTGAGAATGTAGCTGCTGGTT
CTGCTAACAAATTGTAGTGCTGGAAGTACTACAGCACCTGGCCGATCGGCTTATGTACCCCCACATCTGCGGAAT
CGCACAGCCCCATCCGATCTGCCTGCTGCAGCAAATAGTGGGCCTGCTGTGGGTAATGATCGTTCTGGACATG
CAGGGTCTCGCTGGGGTGGTGGTCCCCGGAACGATTATAATAATCGATCCGTTATAGTGGTGGTAGTCGTG
GAGGAGGATGGGGGGGAAGTAGAGGAGGTGGATGGGATCGTGGGAGGGGGGATCGGGAAGTGAATCCAT
TTGGAGATGAGGAGGATACAGAGGAAGCATTGGAGAGCAAGAAAATACCGGTATTAATTTTGATGCTTATG
AAGATATTCCTGTGGAACAAGTGACTAGTGCATGGGACTAACGTGTACGTTTTTAAATTATTTACAGTGTTTA
GGTGATGGGTAGAGGAACCAATTCTGCCTGAATAGAGTATTGTTTTTTTTTTTTTTCTTTTCTCTCGACTA
TTGGTGTTAAAAAGTGATTATTGTCAAACTTATTGTCATTATGGGGGAAAGGAGAAAACGTTGTCCATTTT
GGGGCCCATTAGGAATGTAGAGTTGTGTGCAGTGTTCCTTAGGTGTTGGTAAAATGGTACTAACAAAGTAG
GATCACTTTGTTCTTTTGTCTCGTCTCATATCAGGTCGGAATATGGTGAATTGGTGGTTGAAGAGATCTCAGG
GCTTTACTGTTTCGGCCGCTTTTGTGTTTTCCATCAATTAGGTCAAGTTCCTTTAAAACCCAGTTTGCTTGCTAGG
CTATTCCTCGAGCTTCTTGGGCCATCTTCTTCTCCCATCCTGAAGAATTCATAGTTATTGTAATATTTGTTG
TTGACCCCAAATAAATTTGAAACCTTTTGTAGGGCATTATGAGTTCAGAACGTAAAAACCGGTTTTGTTGGG
TTAAATTTTCATCACATTACAGCAAAAAATGTACACATTTTACTCATTTTAGCTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1209 NM_126228|Arabidopsis thaliana atnudt17 (Arabidopsis thaliana Nudix hydrolase
homolog 17); hydrolase (atnudt17) mRNA, complete cds

AATCCTAATAACTGATATTCTTGATAGTTTCGATCTACATCTCTCTCTGCTTTCTGGGGTTTGTTCAAGATT
CTATTTCTGTTTCAGAAAGAATTATGGCTTGCTTGGTTTCTCGTACCGGAAGAGAATTGCAGAGATATAATCATA
TGGGTTTTCTGCAAGTTGTGGGTTGTATACCTTACAGATTTAAATATAATGAAGATGGGATGAAGATTTGTAAT
GAATATGAGGTGCTTGTGATAAGTTCTCAAAGGGTCAAGGCCTGATGTTCCCTAAGGGTGGTTGGGAACCT
GATGAATCCTTGAACAAGCTGCTTCTAGAGAGTCACTTGAAGAAGCTGGGGTTCTTGGCAAAGTTGAGTCTC
AACTTGGAAAATGGAGATTCATCAGTAAAAGCCAAGGCACATATTATGAAGGCTATATGTTCCCTTTATTTGTT
GAAGAACAACCTGACCTCTGGCCAGAAAAACATGTTAGAGAAACAATATGGATGCCTGTAGCTGAAGCTAGA
GAAGTGTGTAGACACTGGTGGATGAAGGAAGCTTTAGACATCTTAGTTAAAGACTAACCATTGGAGAGCAA

AATGATAATGATCTTCTAGCAACTGATGATCTGTGATTGAAAGCTCAGTCTTGTCTTTTCTCCTTGTAATATGG
AGAGAAAAAATGATTCTGCAGGGTGGGGGAGTCATGTGAATAAAAGTTAATGGTTTGGTTGGATCTTTCCTTT
TCTGAAATCTGATGCCATCAACTCATAGAAAGAAGGAAGCCATGTTTCATGATATCACCGAAAACCTTGATCTGG
CACAAGCTGTTAGAAAATAAAAGAAGACAGAGACATGGGAAAGAAAAGTGAAAGGGAAAGGACAATGGGA
TAAAGGGAAAAACTATAGCAGAAAATCAACTTGACATGGTTGGGGCTGTTTCATGACTAATTGTGCCATAGTT
TCTTTTCTTTTGTATGTATCATCAATTTGAAAGAAAATACAAAATAGATATTATTGAAAGATATCATCTG
ATCTAATCCACTTGCACTTTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAACAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1210 NM_001062006|Oryza sativa Japonica Group Os05g0398000 (Os05g0398000)
mRNA, partial cds

CCTCTAAATCCAAAAGTTTGAGCAAAAAAGCAAAAGGGGGAAGGAACATGGAAGGTAGAGCACATAACAA
GCTTCATTACAATTTCTTAATCCTTCTTCTTCATCTCATTGAGTCTCTTCTCCTTCCCCCTTTTGCCTCTAATG
TAGCTCAAACAACCATCCCATTTACTGTCTCCATTATTATCCCTCTTCTATTGGAGATGGCAGCTTCAGAACT
CGAAGTCGAAGATGTTTGCTCGGATATCTACGTTAACCTGGGCCTTAAGTCATTGCACAAAGGAATCCGAAAA
AATCCTCGGGTCTTACGCTTCTTCTTCACTTCTAGAAAGATCTGTCAAAAAAATGAATTACTAATGGAGGC
CACACAAGTCAAAGATGCTCGACAATGTTTCATGGTCTACGAGCTCCTACCCTGAGTATTCGATGTTACATGG
ACCGCATCTTCAAGTATTTTGGCTGCAGTCCATCATGCTTTGTCATTGCTAATATTTATGTCGATCGATTCTCA
AGTGACAGAGATTGAGTTAACTTCCCTCAACGTTTCATCGACTGCTGATAACGAGCATAATGCTGGCTGCAAA
GTTTCATTGACGACTCGTTCTTCAACAATGCCTATTATGCGAAAGTTGGGGGAGTAAGCACGGCGGAGTTAAAC
AAACTGGAGATGAAGTTTTGTTAGTATCGACTTTAGACTTCAGGTGAATATACAGACATTTCGGTCGATACTG
TTATCAGTTGGAAAAAGAAGGCACCGAAACACGTCAGATTGAACGGTCGATTGAGCCTGTAGGATTAAGGA
GAGCTGGTCAAATAAAGATGAGAAATCTTGCTTCCACAACAGCCAGATGATTTTTTACCACAAACCACTGT
ATGTAAATCATATATGATTCATTTAGAAAGTTTGATTGTTGATAAAGTTGGCCATTTTTTCCGATGGATTTTC
TTTTTAAAAATTTTCAATTTCTTGACTTTGTCTTCATGTAAGCATCGGTGAGAGTTCATGGGAGAAGTAGAAG
AACACCTGTTTGAAAAATATATTCTTTCTATATAAATTGAATGGGCAATTAGTGTTGAACACTCAGTCCATTGT
TCTTCTGTTTGC

>trans_s_1211 HQ258891|Wolffia arrhiza F1-ATP synthase delta subunit mRNA, complete cds

GCAAAAAAAAAAAATTTCTCCGCTTCGTGGTTCTGTCTCATTAGCTGTTTCGCTTCAGTCCTTCGTCTATTAGAA
AACTAGGGTTTACTTTTCTTTTCTGTGAAATGGCTATGGCTGGGCGTATGAGATCGATCATTCTCAATTCAA
TCAGCTTCTGAAATCGGAGTCACAGACTCAGAGATCTGCTTTACAAGAGCCCTACTTTGCCCCACGACTGCCA
ACTCCGAGATCTCGAGGAATATGCAACTTCTTCCAAGAAAACCGAGGCAAAAGTTAAAGTTCTGTGGCTTT
GTTTGGGGGGACTGGAACTATGCCTCTGCTTTGTACATTGCAGCAGTAAAAGCTAATTGCTTGGATAAGGCT
GAGACAGAGCTTCTAGACTTTACCGAGGCTTCAAAGAGAAGTACCACCTTCTCTGAGTTCATAAATGATCCCA
CAGTGCGTAAAGATACCAGGATCAAGGTTATTAACGATGTTTGTGCCGAAGCTAAGTTTTCAGAAATTACGAA
CAACTTTTTGGCTCTATTGGCTGAGAATGGAAGGCTGAAATACGTAGACAGCATTTCAAAGAAGTTTCAAGAG
TTGACAATGGCTCATAGAGGAGAGGTGAAAGCCATTGTGACTACTGTTATTCCCCTCCCTGCTGAAGAAGAGA
AAGAACTGAAGGAGACTCTACAGGATATTATTGGAGAGGGGAAAAAGGTCAAGCTTGAACAGAAGATTGAT
CCAAGTATTCTTGGCGGAATAGTAGTAGAATTTGGGAGAAAGTGTTTGACATGTGATTAAGAGCAGAGCA
CAACAGATGGAGCGGTTCTTGCGAGAACCTGCAAACTTCGACAGCCTCTGAAAAGGGTAGTTTTTACATTATG
GGGATACCTTCTTCTGCTTTGAGCTCTACCATTTTTCAACCATGAAAAGAGAACTTTGGTGTTTTCTTCTCC
CCTTTTTTTTGCCTTTACATGACGGGCGGCAATGCCTCTCTTTCTATGTATGCCAATAAGAAGTTGATTTTTCTTC

ATAACTATATCCATGTTGGACAATTTAAATTTGATGAATATGTACAGCAGTCACATTGGAGGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1212 AY105867|Zea mays PCO143262 mRNA sequence

GCTTTTCTCTCCACCTTCGAAACCCCAATTGCCCTTCTGATCGTTTGTAGGTGGAAGGAGGGGAGCGAAGAAT
CGTCATCTCGCTGGGAATTTTATGGTGTTCCTATTAACATCGATTACGCAGCGGTGCAATAGAGCTTTCCC
TCCTACACCCACCAACGAACAGGTGAATAATGGAGCATAAAGAGACAGGATGCCAAGCTCCTCAGAAGCTC
CCAACTTTGTGCTAACAACTGTGGATTTTCGGAAGTGCTGCAACTATGAACATGTGTTCAAAATGCCACAAA
GACTTCATCATGAAGCAAGAACAGGCCAAGCTTGACGATCCTCGTTTGGTAACATCGTGAATTGTGGACCCA
ATGACCACAATGAGAAGGCTGTTGTCACTTCTCCAATAAGCTAGAAATCGAACCAGCTGAATCATCCATCATT
CCAACCAAGCAACTTGTACTTCATCAAATGCAAGCAGCACCGTAGAGAAGGTGAAAGAAAGCCCAAATAGG
TGCAGCAGCTGCAGAAAGCGCGTTGGTCTAACAGGGTTAACTGCCGATGTGGAAGCCTCTTCTGTGCAGTCC
ATCGCTACTCTGATAAACACAACCTGCTCTTTGATTACCAGGCCGTTGGTCGGGAGGCAATTGCAAAAGCCAA
CCCTGTAGTGAAGGCTGAAAAGCTGGACAAGATATGATAGACGAGACCGGCTGACCGAAAGACAAAACGAG
GTGCAGCACCAAACCTATGTTTCCTTCTGTGTTGAATGAAATCTATGATATTTCTTGGTTGATGTTTTTTTG
GTGAAAAGGGGGTTGTGTGCAAAGGTTTGTGAGACATGTCTGTCTGTTACTTGGAGGAGCATAATGTTGTGA
GACAATCCCGCTGGAGAAACGGCATCGAGTGTGACAAGTGTGATTGTTAGGGTTTGTGTAAACCAGTCAGT
TGTATGGATGGATTATGCTATGTTTAAATTTCTGCTGGTTGATTTTGTCTCTTGGTGTGTTGTGCTTAAATTA
TGGAATATTGAGTGATGAATTTCTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1213 NM_001070482|Oryza sativa Japonica Group Os09g0565400 (Os09g0565400)
mRNA, complete cds

AGTTGCCCAGTTGCTCAAGGAGAAAGAGCATATTGGATATTTGCTAAGGACTGCATTATCTAAGAGAATGACA
TCTGATCCATCCTCAAAAGCTAATCAATTATTTGAAGTAGCTGAGAATGGTTTAAGAGAGGCTGGGATTGATT
TCAAATTCAGCAAGCTTCTTGAGAGGAGAAATTTCTACTACAAGGGACAATAGGAAAGCACTAGATGCAG
AGGATGAAATATTCACCCTGGCTGGTGCTCTGGAGAATATTGTGAAGGCATCTCAGATTGAGATCATTGAGCT
ACGACATTCAGTGAGGAGTTAAGGGCAGAGTCAGTTGTACTTAAAGAGCGCCTAGAATCCCAATCCAAGGA
GCTTAACTTAGATCATTACAAATTCAGGAACCTGAAGAAAAGGAGAGAGTTGCCAATGAAAGTGTGGAAGG
GTTAATGATGGATGTCACAGCTGCGGAAGAAGAAATCATGAGATGGAAGGTAGCTGCAGAGCAAGAAGCTG
CTGCTGGCAAAGCTGTTGAGCAAGAGTTTCTGGCACAGATCTCAGGTGTTAAACAGGAACTTGAAGAAGCGA
GACAGGTGATATTGGATTGAGATAAAAACTTAAATTTAAAGAAGAGACGGTAAATGCTGCCATGGCAGCCA
GAGATGCAGCTGAGAAATCATTGAGACTAGCAGACGTGAGAGCGTCTAGGTGAAGGAAAGAGGGGGGAAG
AGCTTACCAGGCAGCTTGAACAGCTCGATAACCGAGAAGAATCGAGAAGAGGAAGTTCAAATGGTCATAGAT
ATGTTTGTGGCCATGGCAATGGCTTGGACTTGATTTTGTGGTTCTCGGCACTCTGAAACACAGCACCAAGA
GAGTTCAAACGAGATGGAACCTCTCTGAGCCGCTTCTCTGAGATTTTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGTATTTAT
TGTGAAAATGAAATATTAGAAGATTTATAGAAAAAATACATAAAGTAGATTTGTTCTTATTGAATGCTCCGGG
GTGATCGATTGTTTTCTGATAAACAGTTGCTTTGAGCAAAGTGAATATATTTAAATGTTATTCTTTCTTGT
GTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1214 NM_118980|Arabidopsis thaliana AAC3 (ADP/ATP CARRIER 3); ATP:ADP antiporter/
binding (AAC3) mRNA, complete cds

CATTTGCGGAGGCACCCACTTGGTGATCTCACCATTCTGTCTCTTTCACACTACCGGCCTTTACAGGTCCCCA
TCTGAGTCTCTACGATGGAAGATTCCTCACACCAGTCATCGGTGTTTCAGAAGATATGTGGCCATTCTTACCTC

ACTTCTAGACTCTCCCCTGACCTTCACTCCACACGGCTGACCGGTGTATTTGCTAATGGTGTGTTTGGAGAATCC
CTTGAAGACAGCTTATCATGGGACTGGCTTGGTTGGAGTCTCACCCACTTCTCCTTTTCTGGTACAAGCTCCTTC
TGAGAAAGGTGCAGCTGGCTTTGCCGTGGATTTTCTTATGGGAGGAGTATCTGCTGCTGTTTCTAAAACAGCT
GCTGCTCCAATTGAGTGTGTCAAATTGCTGATCCAAAATCAGGATGAGATGCTTAAGACTGGTAGGCTATCTG
AGCCATACAAAGGAATCACCGACTGCTTTGCCCGAACAATTAAAGATGAAGGAGTCATATCTCTATGGAGGG
GAAATACTGCAAATGTTATCAGATACTCCCCACACAAGCTTTGAATTTGCCTTCAAGGATTACTTCAAGAGG
CTGTTCAACTTCAAGAAAGACAGAGATGGTTACTGGAAATGGTTTGCTGGGAATTTGGCCTCTGGTGGTGGCTG
CTGGTGCTTCATCTCTTTTATTCGTTTATTCCCTTGATTATGCTAGAACTCGTCTGGCCAATGATGCTAAGGCTG
CTAAAAAGGGTGGCGAGAGGCAGTTTAATGGTCTTGTTGACGTTTACAAGAAAACCTTAAATCCGATGGCAT
TGCTGGGCTGTATCGTGGATTTAACATCTCTTGTTGGAATTATTGTGTACCGTGGTCTTTACTTTGGAATGT
ATGATTCAATGAAGCCCGTAGTTTTGGTTGGCGATTTGCAGGATAGTTTCCTTGCTAGTTTCTTGCTTGGTTGG
TGTATCACGATAGGAGCTGGTTTGGCTTCTACCCAATCGATACTGTTTCGAGAAGAATGATGATGACCTCAG
GCGAAGCAGTCAAATATAATAGCTCATTGGATGCATTCAAACAGATCGTTAAGAATGAGGGAACCAAATCTCT
CTTCAAGGGTGGCTGGG

>trans_s_1215 XM_002878022|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata prenylated rab acceptor family
protein, mRNA

GGTCTCCATACGAACGAACATAATCCCTTTGAAACCCCATTTGTGTAAATATCAAATCGCACCGCCAGATCT
CACTCTCCACATCCATGGCTTCTCCACCGACACTTCCGATCTCTGGCCCTCAATCCGCTACCGGAGCTCCGTCTC
AGCCACCCATCGCCACTCCTGCCTTCCGCGCATTCTCTCTCGTCTAACCTCCTCCGTCCGCCAAGGTTTCTCCC
ACCGACGCCCATGGTCGGAGCTCGTCGACCGGAGTTCGATGGCTCGTCCGGACAATCTTTCAGAAGCCTATTC
CCGGATCCGCAAGAACTTCTCGTACTTTCTGTCAATTACATCACTCTCTTGGCCTTGTTCTTGGTTTTTCTCTT
CTCTCCACCTTTTTTCTCTTGACTCTTCTTCACTCCTCGCGGCTTGGTGTGTTTCTACATTTTCCGTCTTCC
GATCAGCCGTTGGTTATTCGTGGCCGTAATTTCTGATTTCGAAACGTTGGTTGGGCTGGGGGTTCTTACTGT
CATTGTGGTGTTCTCACTAGTGTGCGATCGCTCCTGATTTCGGCGTCGATGATTGGATTGTCATTGTGTGCA
TTCATGGTGCGTTTAGGGTCCAGAGGATCTCTCCTTGACGATCAAGAGCCTGTAAATGGAGGATTCTGTCTC
GTTTCTTGGTGGCGCCGCTCCGCTGCTTCAGCCGAGGTCCTGCAATTGCAGCGCGTGTATAGCCAGATCA
TGATCGGCGCCTGATGAACGAACGGATGGCAGTTTGATTATGGGTTAGGCTTACCTGTTGTAATCTTCTGCA
GTTTGAATTCTTGTGATCCATAAGAACTGGATTAGGGTTTGTCTCTCATAATGTGCTGAAAATTTATGTCAA
TTTTTGTGTTAGTTGCGCTATATACAACAATATTATGAATTGTAGACTCTATTACTTAGGGCGATTATTACGCA
TTCTTTTAATATAGCCTCTTATTTCTTTAGATAACGCTTGAACCTCATTGTCATGTACTTTGCTACTATGTTCA
GTTTAATTGGAGATCTTGTTTACTTCTAATGGAATTTTGAAGTGTGTCAATTGGTTGACCAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_1216 AY104396|Zea mays PCO098475 mRNA sequence

AAATCACAGCAACAATAATTATTTCTATATTTGATTAAGATTGGTTATAGATTTTGTCTATAAATGTGGGGTTTA
CAGTTTATTTTGTAATTAGGTTTCAATTGGGATCTTTTGGACACAGCGTTGTGAATTTCTTCTTCATCTTCATT
CTTCAACCTTTTCATGGCGACCAGGCTTATGTTTGAAAACATGTGAAATTGGAGTTTTCTCCAAGCTCACCA
ATTCTGACTGTCTGGTTGCAATTGGTGGTTCTGAAGATTTCTATAGTACCTTTGAAGCTGAATTAGGTGCTGTC
ATTCCCGTGGTTAAACATCTATTCTGCACTCGCATTATTGGTCGTCTATGTGCTGGAAATAAAAATGGGCT
TCTTCTACCACACACCACTACTGACCAAGAACTCCAGCACTTGAGGAACAGCCTACCTGACCAAGTTGTTGTTT
AACGTATACAAGAGAGATTGTCTGCTTTGGGGAATACAATTGCTTGTAAATGATCATGTCGCTCTCACACATACT
GATCTTGATCGGGAAACTGAAGATCTCATTGCTGATGTTCTTGAGTTGAGGTCTTTAGGCAACAATAGCAG
GCAACGACCTCGTGGGAAGCTACTGTAGCTTTACAAACAGGGTGGCTTGGTTCATCCACATACATCCATTGA

AGATCTAGATGAGTTATCAACTCTTCTTCAGGTCCCATAGTCGCTGGAAGTGTGAATCGTGGAAGTGCGGTG
ATTGCTGCTGGGTTGACAGCAAATGATTGGACTGCATTTTGTGGTTCAGACACCAGCGCCACTGAGTTATCGG
TCATCGAGAGTGTTTTCAAATTGAGGGAGGCTCAACCAAGTTCATTGTTGAAGAAATGAGGAAGTCACTAAT
AGACAGTTACGTATGAGGAGGAGGAGTCTCTTCTACTACACCTAAGATCTTGCAAGCAATTAATTGTTATTACT
CTTGTGTCTGTATCCTTCAGTTTTATTTAACAACATTGTGAGTAAAAAAGTCGACTCTGCACTTATAGTGTTTTG
GTCGAAATTGTGGTCCATATTGCTAATATAGATCTGTTTTGTAATGGTTAACCAATATTTTACTTGATATCC
CCTTCCGTTTC

>trans_s_1217 BT029996|Arabidopsis thaliana At2g14860 mRNA, complete cds

AAAGGCGCAAAATTTCTCTGTTTCTTCTTTGTTTCGTTCAAATTTCAAACCCACTTCCCATTTTCACCCCTA
AACCTAAAAAGATGATCGGCGCCTTGCGGAGAAGCTCTGGGATTTCTGGGTTGTTACATTTTCGCCATTTTTTC
TACTTGAAAGGTTCTAAGGCGGCTTTGAAGCTACTGCGATCGTGAGGAAGCCAAATCAACCAATTAGGCCG
TACTTCCGTTTGCCGACTCTTTCAGGAAGGCGAAGGAGGTTGGTGTTCGTCGGTGCAGCACTCGTCTG
CTTCATCGTTTTTTCGTTTGTGAAGGTTGAGTTTCTGAATGGTATTTGGCGATGGTCAAATGTCGTCCTGTTT
TTACAAAGAGTATCACTTCTGCGATTATTTACTCGGCTGCTGATTGTGCTCTCAGACCATATCTCTGTCACCTT
CAGAGTCATATGATTTAATTCGAACAGTAAGGATGGCGGGATATGGTATGCTGGTCTAGGGCCATCTCTCCA
TTATTGGTTCAACTAATGTCCAACTCTTCCCTAAAAAAGATCTCTTCTCCACCTCAAGAAAATGGCCATGGG
CCAAGGTCTCTTTGGCCCTTTCATGACAGCCATTTTCTTCTCCTTAAATGCATTTGTCCAAGGTGAAAATGGTGC
TGAAATTATTGCCCCGATTGAAACGAGACTTGCTTCTACAATGCTTAACGGCGTTATGTACTGGCCAGTTTGCG
ATTTTCATCACGTTTAGATTTGTCCCTGTTTCATCTTCAAGCGTTGGTGAGCAATCTTTTTTCGTATGTGTGGACAG
TTTACATGACATACATGGCGAGCCTCGAGAAAGCTGTCTCGTGATTGATCAATATAGCTGGGGGGATTAAAGT
TCAGACACGATCTTGATGACAGTCCCTTTTCCAATTTTCTAGGATGAAGAAACAAGTGGTTTTTCGAAACGGAA
ATTGGTTAACTTTTTAGGAAGAAGGGAGAGAGAGATTCTTTCTAGTTAATATAATTGTAAACGGTTTTACGA
GATAAGAGATGTATGAGTTGAAGAACCTTCTGGGAATCTAAATTAGCATTGCTTGGTACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_1218 NM_101113|Arabidopsis thaliana CLP2 (CLP PROTEASE PROTEOLYTIC SUBUNIT 2);
serine-type endopeptidase (CLP2) mRNA, complete cds

GCGTTGGCCGCTGTGTCATCTTCTTCGGAATTAGACCCAAAACGGTCTAAGCTCTTCTGCATTGAGAGTTCTGT
AATCGACTGGGAATGGCAGTCTCTTCTACTCCTGTTTCAACCTCAAATCAAAGTTTCTCAGCCTTCTCTCAGC
TTTACAACCAAGGTTTACTCGGGATTAAAGCCTCAATCAGCTAGTCCATTTCGGAGGAGTAAAACCTAATATTAC
TGCTGAATTCTATGAAAAAGTTCATAAAAGTTTGCAGGCCAGGACACATAACAAAAAGGCTGCTCGTGACAA
TTTCAGATGATGCCTATAGGGACACCAAGGGTGCCTTACAGAAATCCTGGGGAGGGAACTTGGCAATGGGTT
GATTTGTGGAATGCACTATATCGAGAACGAGTTATCTTCATTGGGCAAAACATTGATGAAGAGTTTAGCAATC
AAATTTTGGAACAATGCTATATCTTGACAGCATTGAACTTCCAGGAAATTTATATGTACATAAATGGCCCA
GGTGGAGATCTAACTCCAACCATGGCCCTCTACGATACAATGCAGAGCTTGAATAGTCCTGTAGCTACACATT
GTGTGGGTTATGCCTATAATATGGCAGCCTTTCTTAGCAGCTGGAGAAAAGGGTAACCGCTTTGCTATGCC
ACTATCAAGAATTGCTTTGCAATCCCCAGCCGGATCGGCTCGTGGCCAGGCTGATGATATTCAAATGAAGCA
AACGAGCTCTTGAGAATCAGGGATTATCTTTTGAGGAGCTTTCTAAGAAAACAGGCCAGCCTGTTGAAAAGA
TTAGCAAGGACTTGAGTCGATTGAAGCCATTTAATGCGCAAGAAGCTCTTGATTATGGACTTATTGACCGTAT
AGCTAGGCCACCGCGCATTAAAGGCTGATGCACCTCGTAAGGATGCTGGAACAGGGCTTGGTTAGAGTTAAGT
AAATCCTTCACATGTTTATTTTAGGTTACATGAAGCACACAATAAAGTAAAATTTATTTATGAAAATTC
GTATCTTGTGTTTATGATCCATTATATTTAAATGGAAGTTCTGTTTGAATATTATGTTTGTACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_1219 AF096249|Lycopersicon esculentum ethylene-responsive small GTP-binding protein (ER43) mRNA, complete cds

ACGGGTGATGAGCCGCTCAATTTTTCTTCTTTTTTCGCTAAAATCGGTAACTGACCCACGAATCACTGTCTG
ATCTCTCTCAATTTCCACGCGCCACTTCACGCGCCTCACCGGTGACTCGTTTCCACCTCTTCTCCCATTTCCT
GACTTGGAATCGGTTATTTCTGAAGACGTTTGTTTTGGTTTCTGATTCGATTTGATTGCAATTGTTATGGCTGC
TCCACCTGCAAGAGCTCGGGCGGATTATGATTATCTCATAAAGCTTCTTTAATCGGCGATAGCGGTGTCTGGT
AAGAGTTGCCTTCTCTTACGTTTCTCTGATGGTTCCTTCACCACTAGTTTTATTACTACCATTTGGTATTGATTTTA
AAATCAGAACCATTGAGCTTGATGGAAAACGGATCAAGCTTCAAATTTGGGATACTGCTGGGCAAGAGCGCT
TCCGTACAATCACCACAGCTTACTACCGTGGAGCAATGGGCATTTTGCTGGTCTATGATGTAAGTATGTAATCA
TCTTTCAACAATATTAGAAATTGGATTCTGAATATCGAACAACATGCTTCTGATAATGTCAACAAGATATTGGT
TGGAAACAAGGCCGACATGGATGAAAGCAAAAGGGCTGTGCCTACATCCAAAGGACAGGCACTTGCCGATG
AGTATGGGATCAAATCTTTGAACTAGTGCAAAGACCAATCTTAATGTGGAAGAAGTTTTCTTCTCGATAGCA
AGGGATATCAAGCAACGTCTTGCTGATACTGATTCAAAAGCCGAGCCTTCGACGATCAAGATCAATCAACAAG
ACCAGGGAGCCAATGCTGGTCAGGCTGCGCAAAAATCAGCTTGTTGTGGCTCTTAAGATGATCAAACCCTTTG
AAGTAGTAATCATGTTGAAGTCATACTTCATTGATCAAGTTATTTTGAATTCTTTGAACCTTCATTTAGTGTGT
AATAGATAGATAGGCACTTTCATGTTTTAGAATTCATTTGTGATCATGTCTATATTATAAAGATATTTATTTGT
TTTCTTTTTTGGCTTTTCAGAAACGATGATGTCCAATTATTTGTTTGCTANTAGATGGTTTGTATATAAAGCAA
CTATTTTAC

>trans_s_1220 NM_104426|Arabidopsis thaliana BCDH BETA1 (BRANCHED-CHAIN ALPHA-KETO
ACID DECARBOXYLASE E1 BETA SUBUNIT); 3-methyl-2-oxobutanoate dehydrogenase (2-methylprop>
(BCDH BETA1) mRNA, complete cds

AAATCGATCATTTCTTCCAAAATGGCATCTGTGCTGAGGAGATCGCAAACAGTGCTGAATTCCCTTTGTAGGA
GGCAATTTTCTGCTTCTCCAGATGGAAATCTTACAACCCATGCTGGAAAATCTATGAATCTTTATTCTGCTATTA
ACCAAGCACTTCATATTGCCCTTGAACTGATCCTCGTGCTTATGTGTTTGGAGAAGATGTGGGCTTTGGTGG
GGTCTTCCGGTGCACAACTGGACTGGCAGATCGATATGGGAAAGATCGAGTTTTCAATACCCCTCTTTGTGAG
CAGGGTATTGTTGGCTTTGGCATTGGTCTGGCGGCAATGGGAAATAGAGCCATAGCAGAAATTCAGTTTGCA
GATTACATATATCCAGCTTTTGATCAGATTGTTAATGAAGCTGCAAAGTTCAGATATCGTAGTGGAATCAGTT
CAATTGTGGTGGTTAACAATTAGAGCACCATATGGAGCTGTTGGCCATGGTGGTCATTATCACTCACAATCTC
CTGAAGCTTTCTTTGTGATGTTCTGGTATCAAAGTCGTATCCCTCGAAGCCCATACCAAGCCAAAGGATTG
CTACTTTCATGCATTCTGATGAAAACCCAGTTATATTTTTTGAAGCCCAAGTGGCTTTACCGTTTGGCAGTTGA
AGAAGTCCGGAGGATGACTTCATGTTGCCTCTATCACAAGCAGAGGTGATCCGAGAAGGCAGCGATATTAC
ATTGGTTGGTTGGGGAGCGCAGCTCTCTGTTATGGAACAAGCCTGTGTTGATGCTGAAAAAGAAGGAATCTC
CTGTGAACTTATAGACCTGAGAACTCTATTACCTGGGATAAGGAAACGGTGGAGGCCTCAGTTAGGAAGAC
TGGAAGACTTCTTATTAGCCATGAAGCTCCGTTACTGGAGGCTTTGGTGCTGAAATATCCGCTTCATTGTTG
AGCGCCGCTTCTAAGGTTGGAGGCCCTATTTCTAGAGTTTGTGGATTGGACACTCCCTTCCCTCTTGTTTT
GAACCTTTCTACATGCCTACAAAGAACAAAATATTAGATGCCATTAAAGCAACTGTAAAGTATTAGCATTATAA
CCAAAACCAAGCTAGACATG

>trans_s_1221 EF608213|Hakea actites peptide transporter (PTR4) mRNA, complete cds

CTGGAGGCTATGCACAGTAACTCAGGTTGAGGAATTTAAGATTCTTATCCGAATGTTCCCAATATGGGCTACT
GGAATTGTCTTTGCTGCTGTATGCGCCCAAATGTGACATTATTCGTGGAACAAGGAACAATGCTGGACAAGA
CTATTGGTTCTTTCCGCATTCTCCAGCCTCTCTCGACCTTTGATGTAGTAAGTGTTATTTTCTGGGTGCCTGT
GTATGATAGATTCATAGTCCCAATTGCAAAAAATTTACAGGAAAGGAGAGGGGATTCACCGAAATACAGCGA

ATGGGTATCGGCCTATTCATATCAGTATTATGCATGCCAGCTGCAGCTGTGGTAGAGATCAAACGACTAGAAC
TCGCAAGAGAGCTTGATTTGGTGCATAAACCAGAGGCTGTACCACTAAGCATACTTTGGCAAATACCACAATA
TTTCTTGCTGGGTGCAGCAGAAGTATTCACGTTTATTGGACAGCTTGAGTTTTCTATGATCAATCTCCAGATG
CCATGAGGAGTTTGTGTAGTGCATTATCTCTATTGACCACTGCTTTGGGGAATTACCTCAGTTCATTCTCTAA
CCATTGTAACCTACTTGACAACAAGAAATGGGCAGTCTGGGTGGATACCAGATAACTTAAACGAGGGCCATTT
GGATTTCTTCTTCTGGCTTTTGGCTGGACTTAGCTTCTTGAACCTGTTGGTTTATACTGTCTGTGCCAAACGCTA
CCGCCCCAAAGAAGGCTTCTCAAGTGTGAAGAAACGAGATGATGCAGTACTGTAACCCACAAAAGGCCATTTTC
AAAACCATGTTTGGGTAATTATTATGGTCTACTGTATATAAACTATAAACTCCCCCATGTTTCTTTCTTTTATT
TTCTTCCCTTAACCTTTAATTCATTTTAATATTGCAATTTGGCAAAAGTTTCGATGTTATGTGCTTCAATGGATTA
GTAACCATCTTTGGTGGTTCATTAGTTTATGATTGTTTTATTTAAAGCTCTGTGTTTGAGAAATTCTGCATGGC
AGTGTCTTCAATGGAATAGTCTTCTATCGGCATTTTGGGAAAAATGAATATTAAGGAATTCAGATCATGTAT
TAAATAAA

>trans_s_1222 NM_001062022 | *Oryza sativa* Japonica Group Os05g0401200 (Os05g0401200)
mRNA, complete cds

AAAGTACAGAAGTAATTCAGGATCATGGGCTGCACTCTTTTTCTTCTCCACGATTTCTCTCTTCCCCAATTAAA
GAAGTGGATGGTTCTCTGAGGAATTTGAGAAGCTCATTTTTTGGTGCCCATATAATGTATAATAAAAGTCTTCT
AAGAAGAAACATGAAATGTTGCAGTGGAAGCTTCTCTTGGTGGCCTCATTGTTTGAAAGAGAGTCAAGGG
CCGAGAGACCGTAATACCTGATCCAGATTACAGAATCCGATAGTCTTACTTGGTGCTGCTGGCGGGTTAACT
TATACTGATAATTTGCTAGCAGCTGTACCTATTGGTCTTCTTGGGCTCCTGCTACTGGTCCAGGCTACTCGAGT
GAGATTTGTCTTTAACAATGAAGCATTGGAGGTAAAAATAGGAGACGAGCTTGTGGACTCTGGTGAAAATGC
TTTTGTGGGTGGAAAGAATCGTTGGAAATATTCAACTTTTGTGAACTGGGAGTTATGGTGGCCAAGTTTTCCC
ATTCTAGTGTACTTCAAAGAACTCAACAAAGCCAGAAGGCCAAGTGCATCTTCCCCAGTAATATTTAATGG
AAAGCAACTGTACGATGTCATGGTGGAAAGAGCTGGCCCTTCCAAAACGAGTGGACCAAAAGAATCCTAAAG
AACTTACGTTTTTTCAACAACTTGATCAGGAAATCTATGGGCGTGGTCATGATAAGTTGAATTTTACATCAAG
ATTCTTCTCCATATACAGAATTAATAGACCAGATTTTGGGGCCGATTTAGTAGCAGCCAAACATTAGAGTGCCA
CCATATAAGAAAATTGATATTACGCGTATGCAGTAAGAGATACATTCATACTGTGAGAATTGAATCTCTTTATA
TGTAATTACACCAGATCAATGCTAGGCTTAAATCGTTTTGTATTCTCATAACTACAACGGGAGCATGTAGGG
GAAAGGCCAAAACATAATCAACAATCTTGATTTATTTAGTTTGGAGCGATGATTGAAATATTTGTCAATATGTT
CCCACCTCCCAATGTAGTACAATAAAAATACAACATTGGTTACCATTTCAAGTGGTTTCAATTATCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1223 BT029302 | *Arabidopsis thaliana* At2g13690 mRNA, complete cds

TGGGTTATCCATTTCTTGGTTGCAAGAAGGTATCTGCAAGTATCATGTTCAAAAGTGTGTTGCTTCATGCTTA
AAGTACTTGGAGGCTGTGCCTTGGACAGAGGAGGAAGAAGAGAACTAAGGAATCTGTTTATAAAAGTCAA
GTTTGATGATGCAACAAGTAGAGATGTCATGGCTAGACTACGCTTGCTCGATTGAGTAATTCACAGCAAGGC
GTAGCCAGCAGGCTTGTGGTCTATTTCCACGTGTTTGAATTCCATTGCAAGAAATGAACTGAAATCTTTAGT
CAAAGGTCTTCTGTGCAAGAGCTCAGTTTATGAGAAAGATCATCTGGACCTCAGTGAAGAGGACCTCTATGCA
GTTTTCCATACTTGTATAGCTTCATTAGCCAGTCTTTTGAAGGGATCCTCCCATGCCGTCTGCCCCAAAACACAT
GTAAAGAATATAACCGAGAAGCCATTAATTGAACAGATCGCTACGGAGGTAGATACCATCAACTGGCTGCTT
GAAATTTTACTCGATTGGCAAATGGCTGAAGAATTTGTCAATATATGGGCAGAACAGAAAGAACTGATTAGA
ATGCACGATAACACTTCACCTATGGTTAGGTACGAGCTCAGTCGGGTTTCAGCAAACCTATTCTTGCATAGG
GACAAGAAAATTGAATTGTCGTTTCGGAACAAGGTCTGGACTGCTGCAAGCGTGGTTTGGTCCAATGCTACTA
GATTTTGGTTGGCTACAACGCTGCAAAAAGGCCTAGATATGAAAATGCTGGAAGAAGCCATGGGTCAGGCA

TTACTTACTCTACCTATGAAACAACAGCATTTGCTATTTATGGACTGGTGTAGGTTCTTCCCCAAACGTGGTACC
GAGTGCCCTAATCTCAGCAAGTCGTTCCAAAAAGGGTGGCGTCGTTCAATCCTAAGAGGTTCTGAGACCTACT
CCATTGAATCTAGGTAGCTCCTCTCCTCTCCCTTCACCCACTTCTTGAGTTATAGCCAAAGTGAAGCAGTTGTGT
GTACACCTTAAAGTTAACAATAAGGTTGTTTGTACAACCTTTAGAGCAACAGACAGAGTTTATAATTTGTAAGT
TACTTTGTGGAAATTATATA

>trans_s_1224 NM_119911|Arabidopsis thaliana hydrolase, alpha/beta fold family protein
(AT4G37470) mRNA, complete cds

TCCTCCACCCGAATAAATAACAACAACCCATAAACAAAACACAAAGTCAGAAAAACGCAACTCTTCTCTTCC
CTTCTAAAATCAAAGCATGGGAATCGCGGAGGAAGCCCAGAATGTGAAGGTAATAGGCGGCGGACACCAGA
CGGTCGTTCTAGGGCACGGATTGGAACAGATCAATCGGTGTGGAAACACCTAATTCCACATCTAGTTGATGA
TTACAAGGTAATTTGTACGATAACATGGGTGCTGGAATACTAATCCTGATTATTTGATTTCGAGCGGTACA
GAACTCTTGAAGGCTTTGCTTATGATCTTCTCGCCATTTTGAAGAAGTTCGTGTTGATTCTGTGTTTTTGTG
GTCACTCTGTTTCTGCCATGATTGGTGCCGTTGCTTCCATTACTCGCCCTGATCTCTCCAGAAGATCATTATGC
TCTCACCTTCTCCGAGGTACTTGAACGATGAAAATACTTTTGGAGGCTTTGAGCAAGAAGATCTAGAGCAATT
ATTCCAAGCAATGCAGTCAAATTACAAGGCTTGGTGCTCCGGCTTTGCCCCGCTAGCTGTTGGTGGCGATATG
GACTCCGTCGCAGTTCAGAGTTTAGTCGAACCCTGTTCAATATGCGTCCAGACATAGCGTTGAGCGTGGCGC
AGACCATCTTTCAAAGTGACATGAGAAACATACTCAGCTTCGTTACCGTCCCTTGTACATCATCCAAAGTATG
AAGGACATGGCGGTTCCAGTGGTCGTTTCAGAGTACCTCCACCGCAACCTCGGTGGCGACTCCATTGTTGAAG
TCATGGAGTCAGACGGGCACTTGCTCAGCTAAGCTCGCCTAATATTGTGATTCCGGTGCTTCTTAAGCACATT
AAGTACGACATAGCAACCCAGTTTTGTTGATGTAAGTGTGTATATATTATGTTTTATTTTCTTTCATCCATGAT
TTGTTAGGAATGGATGTTTGGGAACTTTACTCCATGTCACTTCCTTCTTATGCCAATAATGTAATTGTGTTTCGG
GACTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1225 XM_001690050|Chlamydomonas reinhardtii mismatch repair protein (MLH1)
mRNA, complete cds

GAAAATGTTAGTGCTAATATTACTATTTTGATTGTATGAACCAATACAATTTCCCTTAAATAAATATATTTCTCT
CTTCTTCTCTGCCTCAGCCGAATTCCGCTTCCCCAACCTCTTCTATCTCTTTCACGTCTCAGCCGCCGCACGC
CGCCGCGTCTCCAGTCAGCGTTCTCCTCGCGTTGTCGCTTATCTGACACCCAGACCGAGCGGAGCCGACG
TCTCCTTCGCTGCCGTTGGAGTTCGTGCGCGCCGCGTGTGGTTGGTTACACCCGCCGCGGAAACCTTCGCC
GCTGCGACAGCGTTGCCATCAGCCGCCGGCGGTCTGTCAACCACTGAAGTTATGTACAGAGTTTGGGAATG
GGTTTTCTAGTAATCTTAACATTCATCTTCGTGAGTTAGGGCCGATTTCACGATAGGCAGACGCTGAGCGGA
AAAACAAGAAGCAAACCTGGAATTTTGAACGAAGAAGAATCGCAAAGCAGTGTCGTGGTTTTAGGGTTTA
GGGTTTAGAGTGCTTTAACCTTCTTCCACATTTAGCTTATGGTTGAACCACTTCCCCATTTACTTGCAATTTTCG
ATTTAGATTCTGGCCGTTTATGTGCTTTACCAACTTACTATCTATAGGAATCTTCTGCACTACTCGTATGCTAAT
AGAATTGCATCTATCCAGTTGGTAACTCTCAAATCTGGCCGCTTTATGCCATCAAATGCTTCAGCCATCAGTC
ATCTAGTACAAATATCTCTCTGATGAAGTGAAAGTGGGGGATGAAGTCTTGAATCAGATTATTGCTCCGAGG
GAAAATGCCTCAAATTGTAGCCATGAGATCGTTGATGCTTGCAATTGATAAGATTTGTGGACTGGGACATCTTG
CAGCTGCCGCTCAATTACTTAAATCATTGTGCAATGAGAAAATATCTCTTAACTCTTCAAGGCATATGATATG
GTTTTGCTTGAGCCAGTGAAAGGGGAGAACTCCCTTTTATGTCAAGTTTTTAAAGTTGCCGTAGTTTCATG
TAAATCATTGAGTTCGGCTTCTTACATGAGTTTTGCCAGGGCCTTACCAAGACAAATGATAGTAGCAAGCTGT
TGAATGTGT

>trans_s_1226 AB168112|Pisum sativum sir mRNA for sulfite reductase, complete cds

GGAGGCATGGGAAGAACTCATAGAGTTGATACCACTTTCCTCGATTGGGGGAGCCATTAGGCTACGTTCCA
AAGGAAGATATTTTATATGCAGTTAAAGCTATTGTAGTTACACAACGTGAAAATGGTAGAAGAGATGATCGCA
AATATAGTAGACTAAAATATCTGATCGGTTCTGGGGGATTGAAAAATTTAGGAGTGTTGTAGAGCAATATTA
TGGAAGAAATTTGAACCTTTCGCGAATTACCAGAGTGGAAGTTTGAAAGTTACTTGGGGTGGCATGAACA
GGGGGATGGTCACTTATATTGTGGACTACATGTTGATAGTGGTCGATTGCTGGGAAAATGAAAAAGACTTTA
AGAGAGGTGATAGAGAAATATAATTTGGATGTTTCGGATTACCCCAAATCAAACATTATCCTGACCAACATTC
GCAGTGCGTGGAAGCGACCCATTTCCACAGTTCTTGCACAAAGTGGCCTGCTGCACCCAAGGTTTGTAGATCC
CCTTAACATAACTGCGATGGCATGTCCAGCTATGCCACTTTGTCCTTTGGCAATAACAGAAGCTGAGAGAGGA
ATTCAGATATCCTTAAGCGAGTTCGAGCTGTATTTGAAAAGGTTGGTCTGAAGTACAGTGAATCTGTTGTCAT
AAGGATAACTGGTTGCCAAATGGTTGTGCCCGCCTTATATGGCTGAACTTGGATTGGTAGGCGATGGTCCT
AACAGCTACCAGATATGGCTTGGGGGAACACCCAATCAAACGTCACTGGCAAGGACTTTTATGGATAAGGTT
AAGATCCAGGACCTTGAAAACGTTTTGGAGCCTTTATTTTATCATTGGAAGCGCAAACGGCACTCTAAAGAAT
CGTTTGGTGCCTTCGCAAACCGCTTGGGGTTTGAGAAGCTTAAAGAGCTAGTTGAAAAATGGGATGGTCCTGT
TCTTTCACCAGCACGTTACAATCTGAAGCTTTTTGCTGACAAAGATACATATGAGGCCATGGATGACCTTGCAC
AGCTTCAGAATAAGAATGCCCGTCAATTACCAATGGAAGTAATCCGCAACTACGTGGCTGCTCATCACAGTGT
GAGGACCGAATGATTTGCTAAGAGAG

>trans_s_1227 FJ768730|Arachis hypogaea chloroplast omega-6 fatty acid desaturase (fad6) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AAAGACAAACATGCTGGAAGAAGATACTGCTTGGCATCCTGTGTTGAAAGAGGAATTTGATTCAGCTCCTATT
TTGCGTAAAGCAATCATATATGGTTACGGTCCATTCGACCGTGGATGTCTATAGCTCATTGGTTGTTGTGGCA
CTTCGATTTGAAAAAGTTCAGACCAAACGAAGTGAAAAGAGTGAAGATAAGCTTAGCTTGTGTTTTGCATTT
ATGTTTATTGGATGGCCATTGATCATCTACAAGACTGGGATTCTTGGGTGGGTCAAGTTCTGGTTAATGCCAT
GGCTGGGCTACCACTTCTGGATGAGCACTTTCACCATGGTTCATCACACAGCTCCTCATATACCGTTTAAGTCA
TCAGAAGAGTGGAACGCAGCTCAAGCACAGCTCAATGGAACAGTTCCTGTGCTTATCCTCAATGGATTGAGA
TTCTGTGCCATGACATCAATGTGCACATTCCCCACCATGTTTCTCCAAGAATACCGAGTTACAACCTACGGACA
GCTCATAAGTCTCTTCAAGAAAACCTGGGGAAAGCATCTGAATGAGGCTTCATGGAATTGGCGATTAATGAAG
ACAATCATGACGGTATGCCATGTCTACAGTAAAGAGGAAAACCTACGTGCGATTTGACCGACTCAATAAAGAAG
ATTCTTATCCCATACATTCCTCAAGAAAGTTATGCCTGATCTTGCTTGATTATCTGACTTACTTCAACCTTCAGG
AACACAGACGCTTCTTTCTTTCTTCGCTGTGCAATGTTTTCTCCACAGATTTTGAAGACGAAATGGAAGGAAA
GCTTGCTTTGGTTGGCTGCCGTATATTGAGTTAAAGAATATATATCTCTATTTCAATTTCCAGCCTCTCATTTTTT
TGTTCTTTTAAGGTAGTTGTGATCTAAAGTGAAAAACAGACCTTTGGTGTGTTTATGTTACCACTTTATAAAAA
GGTGGAATGGAACGAAACATTCTTTATCAAAGAGACCTACTGACGAAAGATCAATACAACACAACCATTA
TCATTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAA
AATAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1228 GU451708|Gossypium hirsutum 14-3-3f protein mRNA, complete cds

ACCACCAAACATACAAACGAAAGTCGATTTTACACAGCTCAGTTTTTCTCCTCCCGCACTGAGTCTCTCTAAT
GGCGTCCGCCATCCCTGAAAACCTAACAAAGGGAGCAGTATGTTTACCTATCCAAGCTTTCGAGCAAGCCGAG
CGCTACGAGGAAATGGTCAACTTCATGCAAAAGCTTGATTGACCTCCACTCCTGCCTCTGAGCTCACTGTCTGA
GGAACGCAATCTCCTTCCGTTGCATACAAGAACGTGATCGGTTCTCTCCGAGCGGCTTGCGCATCGTATCCT
CCATTGAACAGAAGGAAGAAGGAAGGAAGAACGAAGATCATGTTGTCCTCGTCAAAGATTATAGATCCAAGG
TCGAAACCGAACTCACCGAGGTCTGCGCCAATATTTTGAAGCTTTTGGACTCCAATCTCATACCATCTTCGGCC
TCTGGTGAATCTAAGGTGTTCTACTTAAAGATGAAGGGAGATTACCATAGGTATTTGGCTGAGTTTAAGATTG

GGGAGGAGAGGAAGTCCGCCGCCGAGGATACCATGCTAGCTTACAAGGCTGCTCAGGATATTGCAGTTGCCG
ATCTTGACCAACGCATCCAATCAGGCTGGGCCTAGCACTAAATTTCTCTGTTTTTACTTTGAGATCCTGAACC
AGTCTGATAAAGCTTGTAGCATGGCCAAGCAGGCATTTGAAGAAGCGATTGCGGAATTGGACACATTAGGTG
AGGAATCATACAAGGATAGCACCTGATCATGCAACTCTTAAGAGACAATCTCACCTTTGGACTTCGGATTCT
GCAGGACCAGTTAGACGAGCCATAGAAGGCGTCGTGGAGTCGAAGGTCTGTTTTATTCCCCTTTTGGAGGAG
GTGGGCTTCGAATGTCATTTTCCTTGCTTTGTTCTAGTGTGTAAATTTGACAATGGAGAAACCTGAAAAAATTG
GAAGCATTTGATAAAAACATTATCCATCAGTTATGAGAGTATGTCTCTTAATTCATGTAGGATCTCATTTGGTT
GAAACCACATGTAAGTAAAAGACATTTCTAATGTTTTTCAATTGGCAAAAAGTCCTTTAATTGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1229 U60485|Solanum tuberosum actin (Pot66) gene, partial cds

ACCAATCCAGACACTATATTTTCTCTCTGGTGGTGCCACCACCTTGATCTTCATGCTGCTTGGAGCCAATGCGG
AGATTTCTTGCTCATTCTATCGGCAATTCCTGAAAACATGGTCTGAACCACCAGAGAGGACAATGTTGCCATAC
AGATCCTTCCTGATATCCACATCGCACTTCATGATGGAATTATATGTGGTTTCATGAATACCTGCAGCTTCATT
CCGATCATGGATGGCTGGAAAAGAACTTCTGGGCATCTAAAACGCTCAGCACCAATTGTGATGACCTGTCCAT
CAGGCAACTCATAGCTCTTTTCAACGGATGAACTGGTTTTGGATGTTTCAAGCTCCTGCTCGTAGTCAAGCGCA
ATATATGAAAGCTTTTCTTCATATCTCTCACAATCTCACGCTCTGCTGTGGTGGTAAATGAATAACCACGCTCC
GTGAGGATTTTCATCAAGTTATCGGTTAGATCACGGCCAACCTAGATCAAGTCGAAGAATGGCATGTGGAAGA
GCATAACCCTCATATATGGGGACTGTATGACTGACCCATCACCAGAGTCCATCACAATGCCTACATAATAGA
ATACAATCCATCATTGCTAAATAATGTCCTCAAATACCAATCAGCTGGTGACACAATCAAATCAAAGATCAAAC
TTTCAAACCTTAATTCAATCTTCAAAAGTTTGCAGCGACAATGAACTTATTAGACAATGCAAATGGTATAATGAA
GCCTTAACAGTCGTTCCGCCGCTGGCATAACAGTGAGAGGACAGCTTGAATAGCTACATACATTGCCGGAGTGT
TGAAGGTCTCAAACATGATTTGGGTCATCTTTTACGGTTAGCCTTGGGGTTAAGAGGAGCCTCTGTTAGGAG
AACAGGATGCTCCTCCGGCGCAACACGGAGCTCGTTATAGAACGTGTGATGCCATATCTTTTCCATATCATCCC
AGTTGCTCACAATACCATGCTCAATTGGGTATTTTACAGAGTCAAATACCACGCTTGGATTGAGCTTCATCGCCA
ACATAAGCATCTTTCTGGNCCATGCCAACCATCACCCCGGTGTGGCGAGGACGACCAACAATGCTAGGGAAG
ACTGCCCCGGGGAGCA

>trans_s_1230 HM122693|Malus x domestica TCP domain class transcription factor (TCP13) mRNA, complete cds

AAAGAGGAACCCACTTTTCTTTTTGGGTCCTCCCCATCCCCACACACAGACATGGCAGACCAAAACAACAACAA
CAACAACAACAAGCATCACCCATTACTTCCTTCTCCTGCAACTTCTTCATCTCCATTAACAACACCTCCATTA
CCTACACCTTCTTCAGATATCAAAGACTTCACTCTCATTATTTCAAACAAAGATCAAAACAACAGCAACAGCAA
CAGCAACAACAACAACAATTGGCTCCTAAACGTACCTCTAATAAAGACCGTCATAAAAAAGTCGATGGC
CGTGGTCGTAGAATCCGTATGCCTGCTCTTTGTGCTGCTCGTGTCTTTCAATTAACCTCGTGAATTGGGTCATAA
AACTGATGGGGAGACCATTCAATGGCTTCTTCAACAAGCTGAGCCTTCTATTATTGCTGCCACTGGCTCCGGTA
CTATCCCCGCTTCTGCTCTTCATGCTGCTGGTGTTCCTTTCCGATCATGACTCCTCTGTTTCTGTCTCTGCTTCT
TTAACCCTAAAATCGAAGCGGTTCCAGGACCAATTGGGCGATGATGGGTGCTAATTTGAGTAGATCTCACA
TGGCCACCCCGGGGTTTTGGCCCTCTTTAGGTGGGATTGGGACTGGATTGTTAGTGAGAATCCGGGGTCGAT
TATGCCCAAGTTTGGGTTTCATGGGTTTGAATTTAGGGGATGAATTTGGGATCGGTGAATTTTCCGGGCATG
ATTGGGAATCAACATCAACAATACCTGGGTTGGAGTTAGGGCTTTCGAGGATGGGAATAATTTGAGAGGG
ATGTTGAATCCGCCTTCGTTTTCGCAAATTTATCATCAAATTGGCCAAAATCGTGAGTCCTCTGCACCCCCATTG
GAGCAGGATCAAGCTCCTGAGAAAGATGATTCTCAAGAATCGAGATAAAGGATGACGACGATGATGATGATG
AACGAAGGATTTGATGATTTGGGTTTTCAAATGGAACTCTTTTCGGATTTCTAGGTCTAAAATTAGGACTAA

AGAAGGGCAAATGAAGAAGACGAAGATTCAAAGATTGGTTCATAATTTTCAGTGTGTGTGTTTGATTCTTCN
AATTCAAGGTGG

>trans_s_1231 AY109818|Zea mays CL554_3 mRNA sequence

TGGCACCAAAATTTTATGTTTTGTTCTCTAGAAATAGAAACCTGTGGTGACAGATTATAGCAGTTCATCTGGT
GGAGGGACAGTGATCCTTGATGATTGTAATTTTCACGAATCTGTGCATCTTGATAATTTTGACACTGACAGAAC
TTTGGTCTCGGTACCACCAGAAGGTGAATTTCTGTGCATGAATTATCGAATGACTCAAGAATTCAAGCCTCCCT
TTCGTATTAATGCCTTAATTGAAGAAGCAGGGTCCCTTAAGGCTGAAGTAATTCTCAAAGTTCGTGCTGAATTT
GCCTCCAGCATCACAGCAAACACAATTATGATTCAGATGCCCTTCCAACCTTCACAACAAGGGTCAGTTTTGA
ATTGGAACCTGGAGCAGTTGGAAATACAACCTGATTTTAAAGAGGCGAACAATAGACTAGAATGGGGTTTGAA
GAAGATTGTTGGTGGATCTGAACATACTTTACGTGCAAGGCTCACATTTTCACAAGAATCACATGGAAACATC
GTGAAAGAAGCTGGACCTGTTAGTATGACATTCACTATTCCAATGTACAACGTTCAAGGCTCCAGGTTAAGT
ACTTGCAGATTGCAAAGAAGTCTAAACCTATAATCCATATAGGTGGGTAAAGATATGTGACACAAGCAAATTC
ATATGTTGCTCGGTTGTGAATGTAGCCTTCCTCGATCTAGTTTCTCTCTTTTATTATTTTGAGCTGCTCTATCAGT
AAGCAAAATAAACACTTGTGGGTTGTGGTTTATCTGAGGCTGTGTTTGGTGCATGATATGGAGTTATTTTTATC
TTGTGGAGTTTCGAGTGTTGCTTATTCATCCTTCAAGTGCACCTCTCATAATAGCTGTGGTCTACAGTGTTCCATA
GTGTGGAATGCTTTAAAGTTATCAAATTGTCAAAAACGGCATTGTAACTAGTAATTAGGAAACTACGGCAT
ATGGGCTAATAGACATATTCAGTCAGAGTGGTGGTCTACATTCTAGTAAGTCAGGTCGGCGCTTTGAAATTTA
ATTCATGTATTTAATTTGAACCTTTGAACCTTAATGATGATTAGGTATTAGGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_1232 AF411787|Arabidopsis thaliana At2g20630/F23N11.5 mRNA, complete cds

CTCTAGTCTCTACTACTCAACTTCTCCCAATAATTCGATCTGTTCAACAAATTTTACAAACCCCAATGACAACCG
GAAGAGAAATTCTCCACAAGATGAAGGTGAAGGCAGGGTTTTGTAGTTCATCGGCAGCGGAAACAGGAGGG
AAAGGGAAAGGGGAAAGTAACGGCAAAGAATAGTAATAATAATAATGTAAGTTATGGGAGTTATTTGGTGAA
GGGAAAAGCCAACCATCCAATGGAAGATTATTTAGTCACCGATTTCAGAGAGTCAAAGAACATGATTTGGG
TTTGTGTTGCTATTTTGATGGACATTTGGGACATGATGTTGCTAATTTCTTGCAAAAACAATCTCTTTGATAACAT
CCTTAAACAGGGTGATTTGTGGAGCGAAACAAGAAAGGCAATAAAAAGAGCATACAAGAAAACAGACGAAG
AAATATTGGATAAAGTGAAGCAACTCGGAAAAGGAGGATCAACCGCTGTAACCGCCATCTTGATCGACGCTC
ACAACTTGTGGTTGCCAACGCCGAGATTCTAGAGCTGTTTTGTGCAAAAACGGCGTCGCTACCAACTTTC
CGTTGACCATGAACCCACTAAAGAGAAAAGAGAAATTGAAAGCCGTGGTGGTTTTGTGTCAAACATTCCAGG
TGATGTTCCACGTGTGCATGGACAATTGGCAGTTGCCAGAGCATTGCGCGATAAGAGCTTAAAAATCCACCTC
AGCTCAGAACCTGACGTGGAAGTCAAAACGGTTGACGAACTACGGAGTTCATGATCTTGGCTAGCGACGGC
ATATGGAAGGTCATGACAAATCAAGAGGCCGTAGAATCAATTAGGCATATAAAGGATGCGAACGTAGCTGCA
AAACGACTTATCGACGAAGCAGTTTCTAGGAGAAGCACGGATGACATATCATGCATTGTTGTTAGGTTTCGAT
TATTTTCTTCCCTTTTTGCAAAATTTTAAATAGGCTATAATTTAATATAGTGTGTATAATGTTGGACAGTGAATT
TGTTTGCCAATTGGCTACTGTCCATAAATTTCTTATAAATATTACTTCAAACCTCCACATTATCAAAGTTTATTCT
GAATTTAAAGTCTTTTTTGTACTTT

>trans_s_1233 AF049922|Petunia x hybrida PGPS/D6 (PGPS/D6) mRNA, complete cds

AGAATAATTTTGATTCGTCGTGGGCAAAGGGAGAACAACCGAAAACGGCAATCGGGAAGCTTCTTCTCTGCG
ACCATTTTTTCCGATTTCTGAGGTTGAAGTTTCATCAATCTCAGCCAAGAAGGATTCCCTTAGAGTTCAGCTTTA
GAGATCGGCCCCCAATTTGTATTCTACGGGAACAGATCTAATCTATTAAGATGAATATCTTTAGATTAGCAGGT
GATATGACCCATCTTGCAAGCGTTCTCGTCTTGCTCCTCAAGATTCACACCATTAAATCCTGTGCTGGTATTCT

TTGAAGACTCAAGAGCTATATGCAATTGTTTTACGACCCGCTACTTGGATATCTTTACCGACTTCATATCTCTG
TATAATACGGTCATGAAGTTAATATTCTTGGGAAGTTCTTATTCAATTGTTTGGTATATTAGACGTCACAAGATT
GTTTCGTAGGTCATATGACAAGAACCAAGACACTTTCCGCCATCTATTTCTTATCTTACCTTGTTTTGTCTTGGCC
CTACTTATCAATGAAAAATTAACATTCAAGGAGGTGATGTGGACATTTTCTTGTATTTGGAAGCTGTTGCCAT
CCTCCCTCAGCTTGACTTCTACAACGGACGAAGAATATTGACAATTTGACTGGGCAATACGTATTTCTTCTTG
GTGCGTACCGAGCTCTATACATTGTTAACTGGATCTACCGATACTTCACTGAGCCTCACTTTGTACACTGGATA
ACTTGGATTTCTGGGCTCGTGCAAACGGCACTTTACGCCGACTTCTTCTATTATTATTTTCAGAGTTGGAAGAA
CAACCAAAAACTCCAGTTGCCAGCTTAAGAACTTGAAGACATATATATATAAAAGAGAAGTCGCTTCACTTA
TGACATTCAGTTGTATTTGTTTTTTAGTTCACAGTTACCACAAAATCCTGATCTTCTCGAATCTTCCCAAGCGT
GTGTTGTTGCTCTGTAAAACAGTTTTTGAGAGTGGCAGGTACTTTTATTACTACTAAATCAATAGAGAATAC
ATGCCTGTAAGTTTGTGCTGTGAAGATTCTATTCTCTATCTACTTCCACAAAGAGACCCCTTGGCAAAAAAAA
AA

>trans_s_1234 X14018|Spinach psaE mRNA for subunit III precursor of photosystem I reaction
centre

ATTACTTGAACAGGTGAAGATTTTAAGGAAAGAATCTTACTGGTACAAGGATGTTGGATCTGTTGTAACAGTT
GACCAGGTTAGACCCTTAATTTTTATTATTCAAGATTTTTGTTTCATATTCAATTCCTTTTAGAACGATAAATCA
AGTGGCTAACTATGTCCTGTTTAAGGGTTAATTAGGTTGCTGTATTTAATTAGGGATTGAGATTGTGCATGTTT
GATGTTACAATAATATAATGTAGATATGTACTAATGGTTAATATATGTACGAATCAAATTTGCAGGATCCCA
ACACTCGATATCCAGTTGTGGTTAGATTTAACAAAGTAAATTATGCAAGTGTATCAACAAACAACTATGCACTT
GATGAGATTGAAGAAGTTGCTTAAGCTTTTTTAGTTTGCTTGTTGTTTGTATTTTGTATAATAC
TCCAATTTCAATCTATTTCTTCCCTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCC
CCCCCCCCCAAAAAATTAAAAAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCGGGCCCCAAATCCCCCTAAAAG
GGGCGAAATAACCCCCCCCCAGGGGGCGCTTTTAAAAACCCCGGGGGGAAAAACCCGGGGTTAACACA
AATAAGCCCCTGGGAAAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGGAIAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCAACCCCTT
CCCCAAATTTGCCCCCCCAAAAGGGAAAAAGGCCCCCCCTTTACCGCCAAAAAACCGGGGGGGGGGG
GGGGTTACCCAAAAGGGGGCCCTAACTTTTGAGGGCCCTAATCCCCGCTTTTTTTTTTTTTTCCCCTTTTTTT
TGAAAAATGTGGGGGGTTTTCCCCGAAAAATAAAAAAGGGGGGGCCCTTTGGGGTTCAAATTTGGTTTTC
CGACCCCCCCCCCAAAA

>trans_s_1235 NM_001048732|Oryza sativa Japonica Group Os01g0179200 (Os01g0179200)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTCTTCTTCCCCCAATTTCAATCCCTTTTGCCCTCAATTTCAATCTGTGATCAAACCTCAATCGATTTCT
CGCTCTATTTGATCTCCAACCTGTTTCTTCCACGTTTCGATTAACTGCGTCGGCGGGATATTCAACGCGTTTCTGG
TCGATTGAGGTGAATGGCGATTTTCGATCCAGATCTAGGGTTTTGCTTCCCCTTTTTCTCTGAATTTTGTGCATTC
TACCATTTGTTTTCTACTCCAAATTTTCTCGTTGAGGCTCGAGGGATTTGGATCTCGCGTCTGTGGAGAGCTTC
AGCTTACTGCGTTGAAGATGGCTGTCAAAACAGCTCATTCATTTAGAGATCGGACGCTGGAATTTCAGAACAT
AACAGAGAGGGCTAAAGAAGTCTTCTCTTCTGGCACGGGAACAACCTGGACCAAGTGCTGTTTCAAAATCAGAA
GAGCAGCGCTCTGCTGTGGCCCTACAGTCTGAATTTAATAAAAGGGCTTCCAAGATTGGGTAGGGATACACC
AGACGTCTCAGAACTCTCAAAGTTGGCAAAATTGGCAAAGAGGACTTCTGTTTTTGATGACCCAACAATGGA
AATTCAGGAGCTAACTGCTCTTATTAAGCAGGACATTACAACATTGAACTCTGCCGTTGTAGATCTTCAGCTTC
TCTGCAACTCTAGAAATGAAAATGGAACATATCCAGTGATACTACTAGTCATTCAACCACTGTGGTAGATGA

TCTTAAGAATCGATTGATGAGCACGACAAAAGAATTTAAAGAAGTCCTGACCATGCGAACTGAAAATTTGAAG
GGTCATGAGAACAGAAGACAACACTATTTTCTTCTACTGCTTCAAAGGAATCTACAAATCCTTTTGTTCGCCAGCG
CCCATAGCATCCAGGTCAGCTTCTGGTGCCCCAAGCGCAGCCCCTCCTCCATGGGCCAAGGCATCTACATCTT
TTTCAAAGCATCTCCCGGGAAGCAGGTGGATGGGGGAGGGTCAACCATTGTTGCAGCAGCAGCAGCAGCA
GCAGCAGATGGTTCATTACAAGATACTTACATGCAGAGCAGAGCTGAAGCTCTTCAAATGTAGAATCCCAC
ATTCATGAAT

>trans_s_1236 BT011602|Arabidopsis thaliana At3g51100 mRNA, complete cds

AGAGAAAAAAGCTAAAAACAAAACCTTCCATTATAGTGTTATTCCTCCAAGTCTTATAGCCTAGTATTTGAGA
GAGGGAGAGAGATTTTGGGGGCTAACCCTTTACGCCAGTAATTCTATTGTATTTGTATTTGATGTTCATAGCCA
AAGAAAAGTCTTCAAGAACTTGGAGATGGATGAATCAGGCGGAGTTCAAAATCAAGCACCTAATCGTACCTCTA
ATGGGATTAAAGATTCGAAAGGCAAGTCTTGTAAGGGCTGCCTCTATTACTCTTCACTTCAAAAATCCAAATCT
AAGACACCCACTTGCATTGGATTGTCCAAAACCTCTCGACCAAGTACCGAAATACATAGTGGGAGAACTGAGT
TGGAAGCTTCAAAGAGGGACGCAGTCTTACAGATTTCAAGTATGCTTGCGTTGGTTACTCTGTCTACTTAGA
AAAGAAAGATTCATCAAATGATGTGCAGAACAAACAAGCTGAGCTCCCCTTCTGCGTTGGTTTAGAGGTATTG
TTGGACAAAAGACCAGCAGAAAAATTCTCAAGCTCATATTCATAATAAACTGAAGATAGCCCTGCCTTTCACA
ACCACGCAACTATAAACCATCATACCCGGCTGGAGATGAGTATCTAAACAGGTTTAAACGAAATGCAGCCCTT
GTCGCATCAGGTGTCGCAAGGAATGTGAACAGAGTTTGCAACTATGTAAAAGAGAGTTTGGATGATATCTTAT
ACCCATATCGAAGGCGTCCGAAATGAGGTGGTACCTCCACAGATTGTAGAATAAATATCAGTCATTACAGTAT
GTAGGTTGAGAATCCAGACGTGGCCCGATCATGTGAAATATCGATAAAATTCTCATATTTCTTATAAACTGTGT
AGAGATGACATCGAGGGAGCACGTATCATCGTTACTTGGCGCTGTAATGAATAAAGTAATGAATTTAAAGTT
TCATGATTTGTTTATGTTTTGATGCAAAGCCATTGCTTTTGCTTGGGAGTCAAAGCTTGGCCTTGAATCTCAG
GATGAGTTTCAAATGAATATTTATTAGTTTCTAAGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1237 XM_002873228|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata homeobox-leucine zipper protein
14 (HAT14), mRNA

ATACTCTCTTTTTCTTTTTTCCCGCAGTCTCTCCACTCCCAAACCTCTCCGTTCACTCCATTCCCTACCTTTCTGC
CTCTGCGCCGCCCCACACATGGAGCTTGGCCTCAGCTTGGGCGACGCCCCAAGCCCTTCCGCTTGTGCGACA
AGCAATCTCAAGTCCCCTCCCCGAGCGCCGGCTTTCCCGGAAAGATTTAGGGTTCTGTGTCGACTTATCGATT
GGCCGTTTCGTCGCCGGAGATAAAGAAGACGACGAAGACAAACCTAATCAAGGAGAAGATGAATCTGATGG
TAATGAAGATCCACCGGTTCAACTCGATCTTCTCCCTCATAATCCCGTTCTCGAACTTGACTAATCCGTACCA
AGGATTTCCATGGCCGTCGTCCGAAAACGATGAAGGCGAAGATCGAACCGCATCGCCGAATAGCGCTGCGTC
GTCGTTTCAAATGGAATTTGGACTGTACGGCAGCGGAGGTAACATTTCTTGCCGGAGAGATCAAATGGAAAA
TGGTGTAAATGAACGAAGTAGGTGAATCTGAAAGAGCTTCTTCAAGAGCTAGCGATGAAGACGAGAATGGCTG
TACACGGAAGAACTCAGACTCTCTAAAGAACAATCCGCTTTTCTTGAAGAAAGCTTCAAAGAACACAACACA
TTGAACCCTAAACAGAACTGGCACTGGCTAAGCAACTGAATCTTCGTCCTCGCCAAGTGGAAGTTTGGTTTC
AAAATAGAAGAGCAAGGACGAAATTGAAGCAAACGGAAGTAGATTGTGAGTATTTGAAAAGATGTTGTGAG
ACATTAACAGAAGAGAATCGACGGCTTCAAAGGAGCTTCAAGAATAAAAAGCTTTGAAAACCACAAATTCCC
TCTACATGCAATTACCAGCTACAACACTAACCATGTGTCCGTCTTGTGAAAGAGTGACCTCATCTTCCGCCGCT
TCCACCGTCGCAGCGACGGAGGGAGTTACAAAACGATCTGGGTTAGCCATTGGTGGTGGGCGACCAGGTTCT
TCATCTTTCCATTTTCTGCTAAAACACAGTCCCACCAGTCAACAGCTTCATGATAACGAGATGGGTTAGGCGA
ATCATGATGGGGTCCCTTTT

>trans_s_1238 NM_100005|Arabidopsis thaliana NC domain-containing protein-related (AT1G01225) mRNA, complete cds

ACGACAGTGGCGGTTGGATGAAGAAGTAGACCCAGAAAGCAAAGGGAGCAGGCGAAGCAAACAAATGGGT
TTGATCAGTAATCGAGTGGAGAGAAGTCAAATCAAACCAGGCGACCACATTTACACTTATAGAGCTGTTTTCG
CTTACTCCCATCATGGCATTCTTTGTAGGAGGAAGCAAGGTTGTGCATTTAGACCTCAGAGAACTTGAAGTCA
AGCACTGACACTCCTGATTTCTACGATTCAAGTTCAAGCAATCCATCATCCTGTCCAATTTCCCTGACTGTGGA
TTTAGACAGCCAAACAGTGGGGTAGTTCTTTCTTGTCTGGACTGCTTTCTGAGAAATGGATCCCTTTACTGCTT
TGATTATGGAGTTCCTCCATCAGTCTTTCTTTCCAGGGTAAGGGGTGGCACTTGCACCACTGCAACATCGGACT
CATTCGATATGGTTATTCATCGAGCAATGTATCTTCTTCAAATGGATTGGAACTACAATGTGTTTCAAAC
AACTGTGAGGATTTGCTCTATATTGCAAAACAGGTCTTCTGATAGTGGACAGGCTTGGGGTTGGAAGAAGTG
GTCAAGCTTCTTCAGTCATAGGTGCTCCCTGGCTGCCATTTCTTCTCTCTCTAAAGTTGCTAATGCCAAGTC
CTGTAGGCATGGCAGTGATGACTGCTGGAATGTACAGCATGAGTAGATACGCGACTGACATTGGTGTTCGAA
CTGATGTGATTAAGGTGGCAGTGGAGGACTTGCCTCTTAATCTCGAGTCTTTCAGCAGCGAAGAAGAAGATG
AAGATGATGATGATGATGAAGAAGAAGAACCCACCACTAAAAAAGGAAGATTCTAAATGCTTGTGC
CCAGGTGATTCAACTCCATTTCTGGTAGATGAAGCTGCTTCATCAAAATTAATTGATTCTGCGCCAGGTATA
CAAAATAGCAACATTACAGTTCAATCCTCAACTCCAAATTGCTCATCTTCTTCTTGTGTTTAGGTATGCCTGTG
GTTGCACACTGTTATTTATCCTGTATGAAATTGGTGTGTGGACTAGCCTGATCATTAAATTTGGTAGTTGGT
CAGCTACATTACT

>trans_s_1239 FJ617239|Glycine max bHLH transcription factor PTF1 (PTF1) mRNA, complete cds

CGGAGACGACAAGCTCAGTGCCGTTGAATTCGAGTGTGAATTTTGAGAAGGTGAAGAACGAGCCCACAAGT
ACACCGATTTCGAACCTAATCCCTTGCACTTTAATCTCCGATCCGAAGGTGGAGAACACGAACCAGAGATC
GGCGAAGAGGAAGGAACGCGAGAAAAAGGGAAGAGGGTCAACAAAGAAGAGCAAGAATGAAAGCAACGA
GGATGCAGAAAAGCTTCCTTATGTTTCATGTCCGAGCTCGCCGTGGTCAAGCGACAGACAGCCATAGCCTAGCA
GAGCGAGCAAGGAGAGAGAAAAATCAATGCTCGGATGAAGCTACTTCAAGAACTGGTCCCTGGATGCAATAA
GATCTCAGGCACAGCTCTAGTGTGGATGAAATCATCAACCATGTACAATCACTGCAGCGTCAAGTGGAGTTC
TTGTCAATGAGGCTTGCCGCAGTTAACCCAGAGTTGATTTCAACATTGAAAGCATATTGGCTACAGAAAATG
AACCCATACTCGAAAGCAACTTCCAACGATGGTTTCGCCATTGATGTGGCCAGAAAATCCCGTAAATGGAAC
AAGACAACAATATCAACCCCAATGGCATTTCGATGGCTCAGTTAACCAGCAAGGGTGGGCAAGGGATGAACA
TAATCATCATAATTTAGCCCTCCTGAAAATCTCTTTTAAGTTACGACTCTTCAGCAAATTCAGCATCTCTGCA
CTCAAATCAATTGAAGATGGAGCTGTGAAGGGCAACCATGTATTGTTTACTTGTAGCCATCTAGTGTATATA
GCCATATATATAATAATAGTAATAGCAGTTTAGCAGAGGAAGTATAGAATCTACCTCAGCATTCACTGGTTCT
TCTTCTTCTCCGAGGTTCTCTAATTATCAGAGTCGAGAGCCGAGCATGTGCACTTGGTTGGAAACCGGATT
GCTATCAACAACAAGTAGAGAGGAATGTGATTTGGTATCTCCAATTCTTAATATCTAAAATTTTATTTGTATAC
TAATTTGGAGGCTCCTTTCAAGCTAATACTGAGATTGCCAGATTAAAATTGTATTGATTATGATTGCAATTGTT
AAAAGTGATTGCTACTTGAC

>trans_s_1240 XM_002879536|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata helicase domain-containing protein, mRNA

ACCGAGATCCATTTATTTGCCATTAATAGGAAAGAGGAAGCAAATGATGCAAAGAAATCATTTGCTGGTGA
CTCTTGCAGTGATCACGTTGCTCTTCTTAAAGCCTTTGAAGGATGGAAGGATGCAAAAAGAAATGGAGCTGAA
AGATCGTTCTGTTGGGATAACTTTTTATCTCCAGTAACCTTGCAGATGATGGATGACATGAGAATGCAGTTTTT
AGATCTATTATCTGATATTGGCTTTGTGAACAAGTCCAGGGGTCCAAGTGCATACAACCAGTACAGCCAAGAT
TTGGAGATGGTGTGTGCGGTGCTTTGTGCTGGACTATATCCTAATGTCGTACAATGTAAAAGAAGAGGAAAG

AGGACAGCCTTCTATACTAAGGAAGTTGGGAAAGTTGATATTCATCCCGGATCTGTGAATGCAGGGGTTTCATA
TCTTCCCTTTGCCTTACATGGTTTACAGTGAGAAGGTCAAAACCACTAGTATATACATTAGAGACTCTACCAAT
ATATCGGACTATGCCTTGTGTTGCTCGGTGGTAATCTTGTACCTACCAACACTGGAGATGGCATTGAAATGCT
TGGTGGCTACCTTCATTTCTCTGCATCGAAGAGCGTTTATAGATTTAATAAAGAAACTGCGCGGTGAACTAGAC
AAGCTTTTTAATAGAAAGATTGAGGAGCCGGGTTTCGACATTAATACTGAAGGAAAAGGAGTGGTGGCAGCT
GCAGTTGAGTTACTGCACAGTCAAGTTGTACATCACTGATTCTTAATTGCTTGGTTTAGTTGTAATTTTGCTCCT
TCTACTATCAACTAAGAATATAACAAAGGAATCTTAACGAAGGGATTGATCTGGTCTTTCTGCTTTTGGGTACC
CCCTACCTGAATATGGGATATAATGATCCCTAATCAATAGCAAGGTTTGTGGTATGGAATAGTTTGCTGACGT
TTTTTCCCAAGTGATTACACTTACGCCAGGCTGATCTTTGTACAATTTAGGACGTATGTGAAATTATTAATAA
GTTAATTACTTGTATATTATTCCTAATCTCTTTTATTGGTTAGTTGTAATCTTTTGTATTAACTTGGCTATT
TATGCCCTTG

>trans_s_1241 U91982|Stylosanthes hamata EREBP-3 homolog mRNA, complete cds

ATAATCAACATACAATCAATCCATCGCATTACCGTTCTCCAATACTCACAATAATTTACTATGGCGCCGAGAG
ACAAGGTTAAGGCGGCTTCGGCGGCGGTGACGGCGTCGTCCGGGTCTAAGGACATGGAGGTGCATTTTAGA
GGGTGAGGAAGAGGCCATGGGGGAGATACGCGGCGGAGATTAGAGATCCGGCGAAGAAAAGCCGTGTGT
GGTTAGGCACATTTGACACGGCGGAGGAAGCGGCGAGGGCTTACGACGCCGCCGCACGCAAATTCGTGGC
GCCAAGGCTAAACTAATTTCCCTTCCGCTACCGTCAACGATCTTAATCTGAGTCCTAGCCGGAGTAGTAC
CGTCGAATCTTCAGCCGGGACCCCACTGATTTTGACCTTAATCAGGATGCCTCTGGATCTAGGCCGCCGTTTC
CTTCCCAACAGCATCAAAGTGACTCAGATTCCTCTGTTATTAATCTGAACCAAAATGATGACCACAAATCA
AGACCCGCTCTAGATCTCGATCTCAATTTCCCTCCACCGGACTCCGCTTAGGTTTTGATTATCCATGTCCATGAA
TTTTCTTTTTTAATTCTCTCCATGTAAATTAATACACGTGTACTAGAAAGAAAAAACAACAAACGAA
GGAGTTTCCGGGAATTGATTGGTTGGGTTGGGTTTCTGTTATGGATATATGTGAAGGTGAAGGAAGGCTGCA
GCCAGATCGTCGTGGCGGAGCGAACGATTATTCGAGGCGGGAGAAAGAGATAAATATTTAGATGCACACAT
CCAATTGGGGGAGAAAAATTTAGAAATATTTCTATACAATTTTGGCCTGTTAGAAAAAGAAAAATATGAATGT
AGTTTAAATGTTTAGCAATTTTTTTGAGATTTTCATGTACTCTCCTTGACATGGGTTGGATTTCTACATGTC
GTTTTCTGTCTGATTTATCGTTTCTCTCTAACTCGTTCTTCATCATAGTGTTGTGTTGTGTGTCGTTTCTTTATT
TTCTAAGGAAATGACAATTTGTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1242 NM_001049387|Oryza sativa Japonica Group Os01g0309800 (Os01g0309800)
mRNA, complete cds

TCTCTCAATTCTGATTCTTCGTTTATGATCTTCTTCATCTTTCACATAATCTCTCTGTCTTCTTTCCTCCATCCATAT
TCTTCCCTTTACTTTCCCTCATCTCCTCATGATTCCAGAACTTGAGAAACCGAGGATTACTGAGATAAAGGTCC
GGATGGACTGTAATGGCTGTGTCCAGAAGATCAAGAAAGCATTGTATGGAATTAATGGCATTATGATATCTA
CATAGACTTTCCCAAGCAGAAACTCACCATCATTGGATGGGCTGAGCCTGAGAGAATCATGAAAGCCATTAAG
AAAACAAGGAAGATTGCCACCATTTGTTCTGATTCTGAACAGACGGATCCTCAAGCTGCTCCCACTGGCCAAC
CGCCGGATTATATGGCACCGGGCAGCGGTGAACCACCAATATTTTCATCAGGTCCTCCTCCTCCTGACATACCC
GTGGGTGGTGGTCTCCTCCTGACATGGCCATGGGTGGCGGGCCCCACCTGGCCAAATGGTCGTTCAAGAT
GGTAGTTTTGATCCAACCAACGGCCACAACCACCGCCGCTGGAGGATATGATTCTGGACAGGGCCATGTCA
GCCACCAGCCTTCCGATCACGGCCATATCGTCCAACAATATCCGTGAGAATCTGGCCATGTTGTCCATCATCAA
GGACCAGGACCAGAACTTGGCCATGTCATCTCTACCAACCTGAGTATAGCCATGTGGTCCACCATCAACCAA
CAGAATCCTTCCACGTAGGCCATCAACCATCCGAGCACGTCCACATGGTTAACCAGCCACCTGATTACAGCCAC
ACAGTTCACCACCAACAGCCCCCTGATCACAGCCAGACGGTTCAATACCATCAGCCACCAATTATAGCCAAA

GCCATGTAGTCCAACACCACCAACCCGAATACAGATACGCCTCCAGCCACAACCTACCACCACAACATCCCAGG
AGCGACATCAATGCAGCCGGCAACCGTGATACACAGCTACAACACATACAAGCCATCGCCATACATTACCGAG
TATGTCCGACCACTTACATGCAGCAGGCCCCAGTATACGCCTCTGAATCCATACCACAGCAGCCAACCACCCA
TTACAGCCCA

>trans_s_1243 XM_002881686|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata bZIP transcription factor family
protein, mRNA

AAAAACAAAGCACGAGAACAATGGATTGGATGAACATGAGCTACTTTGATTTACCCATCAACAACAAGAAG
AACAACAACGACAACAAGGGAACAATATAATCAGCAGATTCTCTCTTTCTGTAAGAGGAAGCCTTTCAATCCA
TGGAATCCCCAATCCACCAATCAAATGGCTTCCTCTTCNAACCCCACTCCCCATTTGCGGTTCTTCCAC
CGTCGAGCTCATTCCGAGGTCCATTTCCGCATTCCTGACGATCTCGATCTAGTCTCCGACCCTTTCGACGCCCC
TCTTCTGGATTGGAAGATCTGGGCTTTGAGGATGATCTCTTGTGTACTTTCATGGACATCGAGAAGATCGGATC
TAAATCGAAAATGGGTCTTCGTCAAATCCTGCAATGGCTGCCGGTGGTACTGGGGGGGTGAATGTTGAAGG
GGAGAAAATCTCCGCCCCAGGCACCGTCATAGCAATTCTGCTGATGGGTCTTCATTTTGGAGTCTATTGAG
GCTAAGAAGGCCATGGATCCTGATAAGCTCGCTGAGTTGTGGACTATTGATCCTAAACGTGCCAAGAGGATTT
TGGCAAATAGACAGTCTGCTGCTCGGTCAAAAGAGAGGAAAGCTCGCTACATAATGGAACCTGAGAGAAAAG
TTCAAAGCCTTCAGACCGAAGCGACAACCTCTCTCTGCACAGCTCACATTGTATCAGAGAGATACCACTGGGCTT
TCAACCGAAAACCTCAGAGCTCAAACCTTCGTTTACAAGCTATGGAACAGCAAGCTCATTTACGCGATGCTCTAA
ATGAAGCTTTGAAAAAAGAAGTTGAGCGGCTCAAGATTGCGACGGGAGAAGTAATGACAGCTACCGATTCTGT
ATAACTTCGGAATGCCCAAGTTTCATATCCCCAATCTTGCTTTTACACCAACCACAACCTGGGCAACACAAC
CCACAGAGGATGACGACGCAAAGACCCCAAGTTCAACCATTCCATTCTAATTTACCAAACCCACATCAGGCTTT
GTTTGTTGCATCGCACCAGCCTCATGCCTTAACAGAAATGTTTCAGCAGGATCCTATTACCCGATTGCAGGGTC
TCGATATTGGTAGC

>trans_s_1244 AY819698|Vernicia fordii NADH:cytochrome b5 reductase (CBR1B) mRNA, complete
cds

ATTCATTATTCCGTATTTCCCTTTCTTCTTTTCGGCTGCATCCGCATCTCCCGAGTACGGCAACCATTGAAGCTT
TGTGATCCAATTCTCTTTTTCTACCCAAATGCCGACGAGTTTCAGGCCTGAGCTTCTCACCATCACCGTCGC
TGTGGTTGCTGTCGGCGTTGCCACTGCCTACTATTTCTACGTCGCCAAGAAATCCAAATCCAAAGTTGCTTGG
ACCCTGATAACTTCAAGGAATTTAACTAGTTAAACGCACACAGCTTAGCCACAATGTAGCAAAGTTCAGATTCT
TCTCTCCGACTCCAACCTCAATCTTGGGGCTGCCGATTGGGCAGCATATGAGCTGCAGAGGAAAAGATAGCC
AAGGTGAAGATGTTGTGAAACCTTACACCCCAACCACTTTGGACACAGATGTTGGATACTTTGAGTTGGTCAT
TAAGATGTATCCACAAGGAAGGATGTCCCACCACTTTCTGTGAGATGCGTGAAGGTGGTTACTTGGCTGTGAAA
GGTCCAAAGGGACGATTCAAGTATGAACCTAATGAAGTAGAGGCCTTTGGAATGCTTGCTGGAGGCACAGGC
ATAACTCCTATGTTCCAGGTTGCAAGAGCAATACTAGAAAATCCAGTGGATCGCACCAACGTGCATCTTATCTA
TGCTAATGTTACTTATGAAGACATTCTTCTGAAGGAAGAACTGGATAGTCTTGCAACTACGTTCCCTACCCGTT
TTTCTATCTACTATGTCCTCAATCAGCCTCCAGAAGAATGGGATGGTGGTGTGGCTTTGTAAGTGAAGGAAAT
GATACGGCTGCACTGTCCTGCGCCATCCCCGAATGTCCGGATTTTGAGGTGCGGACCACCACCCATGAACAAA
GCTATGGCAGCTTACCTCAACACTATTGGCTACACTTCCCAAATGCAAGTTCAGTTCTAATAATCCAAATTATCC
AATCCCATTATTTACTCTTTTACTTTATTTACCCATTTAATTCAATTCATCCAATCTCATGAAATTTAAATGTAT
ACCCATCCAAACGAAGAACCACATTAATAAAATGGAGTATATCAATGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_1245 XM_002864979|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

ACGTTTCGTATCATATAATTTGGATATGTTTGGAGCTCAGATTCTTGAAATGGTGGCGAAATCATGTCAACATCT
TCTCTCTTCTCTCTCTTCTTTGAATCTTCCGTTTCCTTTTTATGCTTATCTTTTGCCAAAAGTAACGAATTCAAC
TCGTGAATTTCTCGTTTTTCAACGCCGCAAATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCAAATTGATAT
ACGGCTACAATGGATTGGCTGTTGTGTGGTCGGTAGAGATGGAGTTGGAACCGGAGATTGATCGATTGCCG
ATTGACCTATTGGCTCATATTTTGTATGATCACCTCCTCACCGATTGGCTCAGGCGTGCGGCGTATGTAG
AAAATGGAAGGAAGGAGTTAAATTGTCTCTCGGTAGGAGGAAGAGTTTGAGCTTTGCTGGTTGGAAGATGG
ACGATAATTCCACTGCTCGCCTTATTCGCCATGCCTACAGTCTTCGGGAGCTCGACATCTCAAGGAGCCGTTGG
GGTTGCCAAATAACAGACCATGGATTATATGAAATCTCTTGCAGAGTGCATTCCCAACCTCAAGTCCATTTT
GCTTTGGGGTATGGCAGGGATCACCGACAAGGGTGTGTGCAACTGATTTCCAGAGCCAACCTCTTACAAAAC
TTGAATATTGGTGGAACCTTTGTACAGACGTATCTCTATATGCAATTGCAGATAGCTGCCAAATTTGAAGAC
CATTGTCTTTGGAGCTGTGCGCATGTAACAAAGACCGGACTTCTTATTCTGTAAAGTAAATGCCGAAAACCTG
AGTCAATAAATGTTTGGGAATGAGGGTCTGTAGACTGCTTCATTGGTTTGGTTGCGATAAGTCCATCCCTT
CAAATAAAATCAAGAAGTCTGCTTAATTCTATGTGGCCTGTTGTGTGAAAATATGCTATTAAAATATTCTTCAT
ATGTCCTGTAAAGCTTCTATTGTATGTATATGTCTTCATCTTTGTGTTTTCTTCATTAAAAGTAAAATATTAGAT
TTGTTATCATTCCCCCAATAAAGCTGATTGTGTTACGTTTCTGATCATTTAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_1246 NM_126335|Arabidopsis thaliana APK2B (PROTEIN KINASE 2B); ATP binding /
kinase/ protein kinase/ protein serine/threonine kinase (APK2B) mRNA, complete cds

AGTGAAAGTTTACTTGGTGAGGGAGGATTGGATGCGTCTTTAAAGGATGGATCGATGAGCACTCTTATCTTC
CTACTAAACCTGGAACCTGGAATTGTAGTAGCTGTCAAGAACTCAAGCGAGAGAGCCTTCAAGGCTACAAAG
AATGGCTTGCAGGAAGTGAATTATCTGGGCCAGCTTCGCCATGAAAATCTCGTCAGGCTCATTGGTTATTGCTC
AGAATCTGATAACAGACTTCTAGTTTATGAGTATATGTCAAAGGGAAGTCTGGAAAATCACTTGTTTAGAAAA
GGTGTTACACCTATTTCTTGGCGTGTTTGAATGGATATTGCAGTTGACGTGGCACGGGGATTGGCTTTCTTACA
CAGATCTCGACCTAATGTTATCTACCGTGATTTGAAGGCTTCCAACATTCTGCTTGACTCAGAATTCAATGCGA
AACTCTCAGATTTTGGCTTACCAAGAGAAGGGCCTACAGGAGACAAGACTCATGTTTCAACCAGGGTGATGG
GAACTCGAGGCTATGCTGCCCCTGAATATGTAGCAACAGGTCCTTGACTCCTAAGAGTGACGTATACAGCTT
TGGTGTTGTTTTACTGGAACCTCTCTCAGGCAAGCGTGCATTAGACCAAGAGAAAGTTGGTAGAGTTTGAAGA
GACCCCTGTAGATTGGGGCAAACCACTCCTAAGCGATGGTAAGCGAATGTTGAGGATCATGGATACAAGGAT
GGGCGGTCAATATTCAAGAAAAGAAGCACAAGCTGCAGCTTCGCTTGCACTGAATTGTCTTCATACGGATCCA
AAAAAACAGGCCATCTATGGCCGAAGTTCTCGACGAATTGGAACGACTACATGCTGCAAGGATGTTTTGGG
GACCCCAAATGCTCATGCCATCAGACGAACTCCACCTAGATTTTAATCATAATTTGTCTCGAATTGTTTCACTTG
TCATCAAATGCACGTCTTACCTACTACACAAGATGTGCGCTGTACAAGTTTTGTGGATATTTCAAGTAGAATGT
ACACCCTAGGAAATGTATGCAACACAGTTACATTTATATATAGACCTTGTGAGTCTCCACAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1247 AB036735|Nicotiana tabacum NtADH mRNA for allyl alcohol dehydrogenase,
complete cds

CGGAGAGTTGCAATGGCGAACATCGGAGAAGAAGTGAAGAACAAGCAGGTGATTTCCGGGACTATGTTTCG
TGGTTTCCCTAAGGAATCCGATTTTCATCATTACTAGTGCTACCATCCGCATGAAGCTTCCTCAAGGTTCAAATG
GCGTTTTGCTCAAACTCTCTATCTTTCTTGCGATCCCTACATGCGCTTGCTCATGGAATCTCAATCCGCCCCGA
CTTCCTATTCTCCTGGCTCTTTGCTATTTGGGTTTGGAGTTGCTAAAGTGTGGAGTCTGCCACGCGGACTTCA
ATGAAGGTGACCTAGTTTGGGGAACAATGAAATGGGAAGAATACTCTGTTGTGGAGGAGCTGGAAAACCTTA
TCAAATCCAGCACACTGATGTGCCTCTCTACACTGGAATTCTTGGTATGCCTGGGATAACTGCATAT

TTTGATTTCATGATGTATGCTCTCCCAAGAAGGGAGAATATGTGTTTGTATCAGCAGCTTCTGGTGCAAGTTG
GTCAACTTGTTGGCCAGTTAGCAAAGTTGATGGGTTGTTATGTTGTTGGGAGTGCTGGAAGCAGAGAGAAGA
TTGAGCTGCTGAAAAACAAGTTCCGATTTGATGAGGTTTTCAACTACAAGGAAGAACAGGACTTAGATGCAG
CACTAAAGCGGTGCTTCCCTGAAGGTATAGATATTTACTTCGAGAATGTAGGTGGGAAGATGCTTGATGCAGT
GCTTTTAAACATGAGACCTCATGGTCGGATTGCAGTATGTGGAATGATATCTCAATACAACCTTGATCAGTCG
GAGGGCGTGCATAATCTCTTGATCTTGTACTTCAGCGGATCCGAATGGAAGGTTTCAGTGCTCCTGATTATTT
CCACCTTAATGCCAAGTTCTTGGAAGCAATGTTGCCTAATATCAGAGAAGGGAAGATAAGCTATGTGGAGGA
CACAGTTCATGGCCTCGAGAGTGGCCCAGCAGCTTAATTGGACTCTTCAGTGGTCTCAATGTTGGGAAACAA
GTAGTTGCCATCTCCACAGAATGATTCTGCTGCCTGTTGTTTCTTCAGTAATCCTTCCTTCCTCCATTTGGATCT
GCTCTTGATTGTATA

>trans_s_1248 NM_100723|Arabidopsis thaliana plastocyanin-like domain-containing protein
(AT1G08500) mRNA, complete cds

GGGGGGGATTTCACTAAAGTGGAACACTACTACATACATCCTCTTCAGTCTTCACCACAGCCAAATTCCTCTCAG
TACTTCTCATTCTTTCCAATAATTCACAAATCCCTAGAAGAATTTAATGGAACCTCAGAAAGTACAAACCCGATC
CTCTTTCTCCCGCCTTCTCCTCCTCCTCCTCTTCTCCTCATCTCCGGCCGATCCGCGCTCCACGCCTACAA
AAACCACACCGTCGGCGATTCCCTCGGCTGGTTCGACAAATTGGAGAAACCTGCCGTGCATTACCAGAAATGG
ACCGCCGGTAAAACCTTCGGCCTCGGCGATTTTCTAATTTTTAACACGGACAACAATCACTCGGTTGTGCAAAC
ATACAATTTACCACATACAACTTTGCGACTACGACGACGCACCAGAAAACGACACGACGGAATGGTCCGCC
GCCGATCCATCAGCAACCACTCCCTACGCCGTGATGGTGGCTGTCCCCTTGGTTAAAGAAGGCCCAACTATTT
CTTCTCTGGCAACTACGACGGAGAGCAATGCCAGAATGGGCAACAATTCAAATAAACGTCACTCATGGACA
GGGCCTCCCTAAAAGCATGGGAGATCCTTCGGACGAAGCTCCGGCTCCGGTAGTTCCTCGACACCGGCGATCA
AACCGAAGCTGCACCCGACACCATTTGCCCTTCAGCTTCGACAATCCTCGAAACGATGTCGCCGATAACGAT
AAGGAATCTTCGAGCTCCAATTCTATATCGCTTGTTTATTGCTTCAAGTTAATGAGTTCTTCTTCTTGTTAATTG
GTATTGCCTCTGCCTGCTTTTTGTCTCTGTATTGAGTGATTTGTTTTTAATTTATTACTATATTTATTTTTATTT
AATTGTTACGTTCTTCAATATTCAAATAATGTGGGGTTTTCTTTTTCTTGGTGTTCAGCAATACATATACTATA
TATAGTTAGCTCGTAGGTTTTATTTAGGGGTTTTCTCTTTTGTGCATTTATATACAACATTATACATGTAA
TAATGGATTGATATAATTGATAGTGATTGATGTTTTTCTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1249 HM208130|Solanum lycopersicum LysM receptor-like kinase (Bti9) mRNA, complete
cds

CTGCTGTTACTGGTATTACAGTTGACAAATCAGTGGAATTCTCATATGAAGAACTTGCCAAGGCCACGGACAA
CTTTAGCTTGGCTAACAAAATCGGTGAAGGTGGATTTGGATCAGTTTACTATGCAGAACTCAGAGGAGAGAA
GGCTGCAATAAAGAAGATGGATATGCAAGCTACAAGGGAGTTCCTTGCGGAAATTAAGGTTCTAACACGTGT
TCACCACTTGAACCTTGGTGCGCTTGATAGGATATTGTGTTGAGAATTCTCTATTCTAGTCTATGAGTACATTG
AGAATGGCAACTTAAGCCAACATTTACGAGGCACAGGTCGAGATCCGTTGCCATGGCCTTCGAGGGTCCAAA
TAGCCCTAGATTCAGCTAGGGGCCTTGAGTATATCCATGAGCACACTGTTCTGTTTATATTCATCGTGATATT
AAATCCGCCAACATATTGATTGACAAAACTTTCATGGAAAGGTTGCAGACTTTGGGTTAACCAAGTTAACTG
AAGTTGGAAATTTCTCGCTTCCTACACGTCTTGTGGGCACATTTGGATATATGCCACCTGAATATGCGCAATAT
GGAGATGTTTCTCAAAGATCGACGTATATGCTTTCGGTGTCGTTCTTTATGAGCTTATTTAGCCAAGGAAGC
TGTGGTCAAGACAAACAAAATGAGCGCAATCAATGAATCAAAGGCCTTGGTTGCTTTGTTTGAAGATGTCCT
GAATCAACCCGACGCAAAAGAGAACCTTTACAACTAGTCGACCCAAGACTTGAAGAGAACTACCCTCTCGAT
TCGGTTTTCAAGATGGCTCAGCTTGCGAAGGCTTGACACATGAGAATCCACAGCTACGGCCAAGCATGAGAT
CAATTGTGGTTGCTCTCATGACACTTTCTTCTGCAACAGAGGATTGGGACGTCGGCTCTTCTACGAAAACCAA

GCTCTTGTCAACTTGATGTCTGGAAGGTAGACATAGAGTCGAACACCACGATTATCGAGGTCGCTGCCCTGTC
CAATTGAAGGGTTTGTGTACCGTGTAACTCTCTATTGTTGGGTGTATAATATGAAAGACAATTCTTCCTTTCTAAA
CAAACGTTTTTGTAA

>trans_s_1250 AY062738|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AAGCGCCGGAATTTGGAGCTAAAAACGCACGGCGTCGGTCTTCTGTGTAGAGTGCGGAACTCAGGCAGTGTG
TCTCAGTTTTGGAGGTTATAGCGGCGGGGTCTTTGCTCTGTTCCGCGGCAGCGTAGAAGTCGAGTTTGTTATT
CTCTTTCAAGAGAGTTTTACACTTACAAGGCGGTGCCATGGTAAAGAACGACGGAGAAGAAGGGGGCGAACT
TGACAACCTCATGCTCGACATATAAAGAAGAGAGCTCTCAAGAACAAAGCACTTTCTGTCTCTTTCAATGAAA
AAGACTTGAGGGACTATGTAAGTGGATTTACAAGAGGAAGAAGAAAAGGAGGAAGGAAGCAGAGAAGCA
AAAAGAGGAAGCTATGCGGCGGATGCGCATCGAAGCACGAAAAAGAGAAAATTAGAAAAGGATCTCGTGC
TATATGGTGGTGTCTACAGCTGACCGGGCAGTTGATGATCAGAATGATGATCAAGAGGATGAGGAAGAGG
AGCCATTAGCACCATTTTCTGAGGCAAGAACGTATGACAACGAAATGTCAAAGTAACTGTGACAACAAGTG
AGGTATCTCGGGAGGGCGAAATTGATCCAATTGACAAGCCACAGACAGCAATAGCTCAGTTGCTTGGAACG
ATAAGAAGCATAACCTGCCAATTACCAAAAAGAAGCTATTCAAGAAAGTAGCAAAACAGAGGTCAAGGCCAA
AGCTTCGAAGTAAAAGAGACAAAAAGAAAGGAAGGAAAAAGAAATAGATAATTATACTAAGCTTCTTACTTA
CTATTTGCTAAATGTTCAATGCGATACGATTTATTTGTTTTCTAATGAGAATACGGAGTGATCTTGAGCATTGG
GTGTCTTTGAGGGTTTTGTATTATTACATTAAAAAAGCTTACCCGTTTTGCAAACTGAAAGTGCAATTTTTCTTT
TTATGTGCAGCTCAAATTGTTTTATTTCAGCATTCTAGAAAGAAAAACACAGATCATCTATGTATAGAAAAAT
TATCGTATTGCTTTACAAGAATGTACACGTTTGATGATTTATATATGTTTCGAATAACTAATTAGTTTTCGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1251 XM_002881749|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DTW domain-containing protein,
mRNA

ATGCTATCATGCCTTACCCTAAAACGAAAGTCGAGGAAGCAACACATCAAAACGGTATCGTTTTCTCCAGAGG
CATGGAGTCAACAAACAACCACAACCTTCGCCGCCGGATATTCCTCGTCGTCGCCGCCACCTCGGCGGCCAATTT
GCCCTAATTGCAACCGTCCCCAACCACTCTGCCTCTGCAAATTCCTTCCATCTTCACCAATCGCAACAAAAACAA
AAATCATCATACTACAACATCCTCACGAATCACAACACAAGCTCTCCACTACACCAATCCTCACGAAATGCCTCC
TCAACGCAACAACCATCGTCAATCGCCGCCTCAAGCCCGGTCTCTCCAACTCCTCGACCAATCCCCTCCCGCA
GTCTTCCTTTCCCGCCTACACCTCACTCCTCGCCGCCGATCAACATCTCGGATCTCAACATAACTGAAGATCTG
GTCCTGATAGCGTTCGACGGAACGTGGAAGCACGCGAAGGAGATGGTGCGATCGAGCGAGGAGTTTCTGTC
AAGGTTTGCAGAGGAGAGTTTGTGGACATCGATGAGAGTGTTGAAGGCGGAAGCATATTTGATTCGGAGTT
GATTCTGAGGAAGGAACCGCACGGCGGATGTGTTAGTACGATGGAGGCTGTGGCGAGGTGTTTGAGAGTGA
TGGAGTTGGATGGGGCGGCGTTGAGGAAAAATTGATTGGGGTCTTGAGGGAAATGGTTAGGTTACAAGCT
GGGTTTTTGAAGCCCATGAACCCTAGGCCCAAATTGCTTAAGAATTTAAGCAGAAAACGAGTGTGATGGAG
GATGAAAATTAAGGATTTTTGAAATTTTGTCTCTTTATTTCAATTACAATTTGTATCTATTTTTTTCTTCC
TATTTTACCCATAAAAAATATTTAGTTTGGTTTTTACTTCTTATTTATACAAGGAATGTTTGGTAACGTGTGTA
ATGTGTTGAGTTTGAATGTAATGTAATAAAAAGTTCATATTTGAATCGTGAACATTTTGAGTTCAATTTGTAAT
AATAACTCAACTCTTCATCGTTTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_1252 NM_001185430|Oryza sativa Japonica Group Os01g0388566 (Os01g0388566)
mRNA, complete cds

ATATCAAGACAACCTTCAGGAAGATTGACTCTCTACCAGACTACTCTTTGTGAAAAGATCTCATGGGACAAGTT
GAATACAAACATGGTTCTTGATCCTGGAGGTTATCTGAGTCCATATAATCAGGATGATATTCAGTTAATTTGTT
GTCAAGCTGATGCAAGTGTCCTGTGGCTTGTCCCTGATGTGGTTCAATCTGGATTCATTCATCCCTTGATCGG
AAACAAGATATAATCATTCTTTCACTTGGATACTCACCAGGGACAGACCAAAAGGGAAAGAAGTTGTAAAAT
ATGACCGAGTTATTGAACCTCGAGATCTTCTAATCAATCTGATGTCCAGAAAGTTCTGAATGGATCGATGAAT
GGCTTTCTGGATAAAAAATGTTTACCAAAGATATTTTCGTGTCACAGGCTCTGGTGAAGTTAGACCTCTAGAAC
AAGAGGAAAGTTTCGTCACTGCTGATCTCATCTTGAACCGTAATAACTACGAATGGTGGCCCTTCCATGACAT
CCAGCCAATAAACGTCAGCGAATGTGGACGTTTCACTGGACCAGTAGCCTTTGTAATCTCTGAGGAAATACCA
CCTCAGGGCATTCTGGGTGACACTCTCAGCAAGTTCAGCATCTGGGGACTTTACATAACCTTTGTTCTAGCAGT
GGGCCGTTTTATAAGACTTCAATGCTCTGACTTGAGAATGAGAATCCCTACGAGAATCTTCCTTCTTGACAT
GGTTGATTGCCATTTGTGAAGACATATATGCTGCTAGAGCTGAGGGCGAGCTTGGGGTTGAAGAGGTCTTAT
ACTGGACACTTGTGAAAATCTACAGGTCTCCACACATGCTGCTTGAATATACCAAAATAGATTAGACAGCAAA
GTTCAAACAAACATTTACCAGATACCTAGATTGCGGTTATTGAACACGAAACCTAGATATGAGTACGTATACA
ACTAACACCAATTATAGTAAAGCCTACCTCGTGGTGATCGGCTCATTCTTGAGCACATGGTATGTTCCATAT
TATCAGTTGAATACCAAGACAAAATGGATGATCGGGTTAGTGTAATGAAGAAGTTTCAGCTTTCAAACAAAG
GGATAAGGCTTTC

>trans_s_1253 HM168340|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata isolate WAS_9 At1g06530-like protein
gene, partial cds

AATTCAATCACAAGCTTCTGTTCTTGCTCTGTTAATGAACATTTCTGGGTAGACCCAATTTATAATTTCTTCTCAA
ACTGGAAAATCATCGCCACCATCATGAATCGGAAGTGGGTTCTGGCAGCGATTGAGGGATTCTCTCACAAATC
TCGATTCGTTTGAACGATGTGGGGTTTGATTTGAATAAACCCACATCGGAAATCCTCTCGTTTTCTGTTATCAA
CCGGTGTTTCGAATTGCTTCGTGTTCAACACAGAGCGTTTGCGAAGTTGCTTCTGGAAATTGACTACCCAGTTC
GGAAACACGAGGGTCCATCAGGGGATGAGTTTCTCAAATACTCATTGAAATTGCTTGATCTTTTGAATTGATT
AGTTCGTGTATTGCTCATCTGGGACAAGCTCGGTTGAAGCTTTCTCATGCTTTGAGCTTGGTGGAGGCTTCTCC
TTCCTCTGCTCTTGATCGTTTAAAGCCTATAGGAACAAGCAGTTTCAGCAAGGAGCCGATTAAGGAAGGTGAA
AATGGAGAGATTTGTGTGGAAGTTGAGAAATCTGAGAAAGAATTAGTGGTTCATCGTGCTTTGATGATTATGA
AACAGATTGGTTTGTGGGTTTGTGGGATTGTGATTTCTGGATTGAGTGGAGATGCTGAAGCATTGATGGAAT
GAGAAAATCATATGAGGAATTTGGGGTTTCTGGTTTAGATAGATTGGATTTTATTGTTCATAAAGCAATTTGTG
AATCTGGGGTGATGTTGAAGGAAATTAAGAGGTGAATGATGCAGTTGAGCTTCTGTTGCTTCCACGGCGG
CTGGGAAAAGCAGTGATGCAGCTGAAAATTTGCATAAAAGATTAGAGGTTCTTGAGAAGGAGACAGATGATT
TGAGGAAGGAAGTTGATTCTCTATTCTCTGATGTTTTGGAAGAGAGAACCAAAGTCTTGATTGCATAAGACT
GAGAAATCAATAGCCATGGTTGGACTGTTGTTTCTACTTTTTTTTTTTTAAACATATTGAATTGTGATTATGAGT
TATAATGTATAAACTTCACTGTTGAACTGCAAATATAAATAAAACAAGTTTACGATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_1254 BT003083|Arabidopsis thaliana At3g23090 gene, complete cds

TACCTTTTGTGTTGTTTCATTAGGATTTAGTTTTCTTCTTCTTCGAACTCACTTTGAATCTTTCTTCTATCAG
ATCATGGGGAGGGAGCCAAAGTGCTGTAGCAGTCGTACAAAAGCCAAATGGTGTTGCTCATGACATGGTACAT
GTTGCGCCGAGAGTTGCTCACCATGACATAGTTCATGTAGCACCGAGAGTTCTGGTAGAAACATGGAGGCC
AAGGACTATGAAGTAAAGGAATGTACTGAAGAAAAGTTGATCATTGAAAAATATGATGAGAAGGTAGAGGTT
TTAAGTATCAAAAGCACTAATGTTGATGGTGAGGAGAAATATGAGAAGTCTCGAGTTGAAAAGTTTGGTGAG
TACAAGAAAGTCGAGCCCTCTGGATCAAAATCTCCAGGAAATATGAAGGGGCAATACACTGTTCTCAGCCGT
TTACATTGGAAACTGAAAAGCGTGGTCCGTGCGCACATAATATTGGAAACGATGCAACTAGCACCCTGGTGT

CAACATTTACCGAATCTGCAATCTCCTAGTGCTAAGAAGAACTCTCAGCCAAATTCACCTCCTTCGTTAAGGA
AGCATGTGCAGCTGGATAAAAAATACCACGATGAAGAAGATAATTGGTCCATCACTTCCTCTGTTGCTACTTCC
GTGAAATCTAAGGTAACCGTGGGTGTTGCTCCAACCTTTTCGATCAGCTAGTCGTGCCGAGAGAAGGAAGGAG
TTTTACCAAAGTTGGAAGAGAAACACCAAGCTTTGCAGGCAGAGAAAAGCCAATATGAAGCCAGAACAAAG
GAAGAGCAAGAAGCAGCCATCAAGCAACTGAGGAAGAGCTTAATCATCAAAGCAAACCTGTGCCTACTTTCT
ACTATGAGGGACCCCCACCCAAAGTTGAACTCAAAAAGCTGCCACTGACACGACCCAAGTCACCGAATTTTAC
CAGAAGAAGGAGCTGCGGCGATGCAGTTAACTCAAATATAGAGAAGGGAAAAGAATGTGGTTCGAGTGAAAC
GACACAGCCTTGGAAGTATCAGAACAGACCCGACTAATGTTATGACAACTGCAAAACAAAGGGGCTAAATC
AGCGGTCGGATAGCGGTAGCA

>trans_s_1255 EU853459|Cucumis melo var. cantalupensis Ran-binding protein 1 mRNA, complete cds

ACTCATTTCTTCAGTTCCTCCCTCCCAATATATAAACCTAATTTCTCCCCATTCCGATCCATTATTTCCAATCTCA
CTTTCCACATTCCCTACCGAACCTAAACCCTCTTTCATGGCGAGCTCCGATACCGAACGCGGAGAAGAGGAG
GAGGCTCCTGCCGCGGAGGATGAAGACACTGGAGCTCAAGTTGCCCAATCGTCGAGTTGGAGGCGGTCAAC
GTCACCAACCGTGAAGAAGATGAAGACGCAATTCTCGATCTGAAATCCAACTGTACCGATTTGATAAAGATG
GAAATCAATGGAAGGAGAGGGGTGCTGGTACTGTTAAGTTTTGAAACATAAGGAGACTGGCAGGGTTCGCC
TTGTTATGAGACAGTCTAAAACCCTCAAGATCTGCGCTAACCATCTTGTACTTCCATCAATGACCGTTCAAGAA
CACGTTGGAAATGAGAAGTCGTGCGTTTGGCATGCGACTGACTTTGCTGATGGTGAATTGAAAGATGAGCTTT
TTTGATCAGATTCCCATCTATTGATAATTGCAAGACCTTCATGGAAACATTTCAAGAAGTTGCGGAGTCCCAA
AAGAAGAAAGTGGAATAAAGATGCATCAGCTGCAGCTGGTCTACTTGAAAAATTGAGCGTTGAAGATGAA
AAGAAAGCTGAAGATAAATCTGAAGATAAAGCTGAGGACACACCTGTAAAATCCAAGGAAGAGGATAAACCT
GAGGGTGAGGCAGGGAAATCAGATGCAGAGAAGAAAGACTAGGAACTTGGTTCTACTGCCAGATACGGGAG
GATATAGCTCTTCTCTACCGGATACGTCTCATTGTCATGTCTTGTTACATCAAAACACAGTCAATTCTTCGA
TTGGGTAACTTTTCTGGGCTGGAAAGTTAAAGAGTCATCTAAATTGTATGTTGTTGTTGGTTGGTTCGTTG
GGGAGTCAGTTTTCTATTGTTACCTTCTTTCAATTTGAAAATGAGATTGATTTGTAGTCAGTGTGAGATGGTT
GTGTGGTGTGAGGCGTTTGTGAATCCTCGAAAAAGGTCAAATAGCTTTTTTAGAAACCATAAAGTTTGTGTGC
AGGGCCCCGAGCTG

>trans_s_1256 AF245222|Cucumis sativus OP1 mRNA, complete cds

AATCATTCGCCCCCGATCACCTCCCATTATTGTTATTCTTTATATATCTCTTTCCCCATCTTCTTCTTCTTCT
TTCTCATCAACCCCTCTCAAAACCCACAACCTCTTTTATTTTCTTCAGTTAATTGTATCTTCAATTCTCCTTTGTTT
TGTTTGTGTTGTTGTTGTTGGCCAGCCATGTCGTCTCTCACTTCTTCATCCTCTTCCATTGCTTCTTCCACTCCCATC
TCCTCGGCCTTCCCAACACCAATAATAATCTCACTTCAAGAGTGAGGTTGTTGCCGATGATCACCGGTTCTCTTC
ACCGCCGCCGAGAGACTCTGCCGTGAGCCATAAACATTGGAGCACCAGTCGGAATGCTGTTCTAAGAGAAG
AGATGGAAGCGACAGCAGTTCCGACGTGCGTGCCAGTTCGTGTAGCTCTCGAGCTTCTTCAAGCCGGGCAGC
GATACTTAGACGTTAGAACCCCGGAAGAGTTCAGCGTTGGTCATGCTCCGGGCGCCATTAACATACCTTACAT
GTACAGAGTAGGTTCAAGGAATGACAAGGAATCCACATTTCTTAGCGGAAGTGCGGATTTATTTTAGAAAAGAT
GATGAAATTATCGTTGGATGCCTAAGTGGAAGCGGTCTCTTATGGCTGCCGCCGATCTTCTTGCTGCCGGAT
ACAATATGTAACGGACATAGCAGGTGGATATGAAGCTTGGTCTCGCAACGGGCTGCCTATGGAATTGTAAA
TCATCACTTCAAACCTTCATATGCTTTCACTGTACAGCTACCAACCACAATTTCTTTAATAAAACCTCCCTCAA
ATGCTCAAACCAAACCTTGCATCAGTGACAAAAGTTTTCTTTAAAAGTCATGGATTTGATCTTCTTGTACTAAT
TAAAACAAAATCTTCCCATAGTCTCCTTTGGTATAGATACTATTGTAATGTCCAGTGGTCTTTTCATCGATCGGT

CTCTGTAAATCTCAATAAATGCAAATTTTATTTTCTGAGTATTTAAATTTCTCATGTTACAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1257 XM_002884729|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tata-associated factor II 58
(TAFII58), mRNA

TCGTACTAAAATTTGTTTATCTTTTCAAAATTCAGAGTTTCCAAGGCCATGGTCTCTTGAGAGTACCATCAACA
AGTTCTCCAAGTTCTTCATTGCCAAACACATCACAAGCAAAGGTCACATATCCCTCAACAACAGAACCATCCCT
TAACTCCAGTTTCTCAGCAGCAGCAAATTTTCATCAGCTCCTCAACAACAACCTGCACAATCACATCAGCCGCAG
GAGCATTTTGCACAACAATTTCAACCATCAAGGAGCTCGCAAGGCTTACCACATCAACAACAGGCTGCAAGAG
CTCAGGGGCCAGCAAACCCTAAGGCTTCTCCTCTTCCACCTGCACAACTAATAATGCACAGGCATCGGCCCC
GAGCAGAGCTATAACTGCAGAAATGGAAGAACCCTGTAGTAGAATTCTCAGCAAAAGAAGTATTGGCAAATT
GGTTAACCAAATCGATCCATCTGAGAGATTGGATCCTGAAGTGGAAGATATACTCGTTGATCTGGCAGAAGA
GTTTGTTGAGTCAATTACAACATTCGGTTGCTCATTAGCGAAGCATCGCAAATCTACTACATTGGAAGCAAAA
GACATCCTTCTACATCTTGAAAAAATTGGAATCTAACACTTCCTGGGTTTGGTAGTGACGAGATTAAGATATT
CAGAAAACCGCTTACAAATGATACTCACAGAGAACGTCTTGCAGCAGTAAAAAATCTATTGTGGCAAGCGA
GATGGCAAGTACCAGGAGTTCTGCTGGACAGGCCGCTGGAAATACCAAAGCAGTCTAACAAAAACACCTGC
AGTTTAGCATCTCCAGAGTTCTGAATTTGGAATCTAGAAGGTATGTAAATGTGTCTATCACAAAAAGGTATTA
GGAAGTGTCACGATTTTTTGACATTGAAGAATGGAAGATTGAGCCTTGGTCTCCATTTTCATGTCTGTAAATGTA
GAGAGGTTAATGGTTTGTGATACCTTCGTCTTAATATGCCCAAATGAGTAAGGTTGGACAATCATTTTAA
CACTGTTCACTCTCTCTAACCTTGAAAAGATAATTTTGTAAGTACTAGATTTTCCGAACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_1258 XM_002864678|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata synaptosomal-associated protein
33 (SNAP33), mRNA

ATCGACATTATTTGATCATTTTTTTTTTAATCCAAAAGGTCAATTTAGCGGTTTCATGAGGTCAAGGTTGTCTTCTT
CATTGTTCAACTTCTTCTTCGCAGTTTATTTGATTTGGGTTTCGTGAAATAGTTCCATTCTTTCGTTTTCTGAA
CTCTCTCAAGGAAAAACCATTAAGTTATTGGATTACTTTGTTTCATTTACATTAAAGCCAATTTTGACATTCTAG
CTCTCGGGAAAAATGTTTGGTTCAAAGAAGGTTCAATTTAGGATAGGAAAACATAGTTCTACCCCAAACCTTT
TGAGTCTGATGATGATGTTAAAGCTAAGCAAAACCTGGTTTCTTCAAAAGAACTTCCTCAGACCCTTCATTAC
TGACGGAGAAGTTTAGTTCCAATCCTTTTGATGATGATCATGGACACGCCCCCTCATCTTCAAGTTCAGTAAT
TGGTCAGAAAGGAACAAGTACAAGAATGATTTTCGTGACTCAGGAGGAATAGAAAACCAATCGGTACAGGAA
CTGGAGAATTATGCTGTTTATAAGCTGAGGAGACAACAAAAGCAGTGAATGGCTGTTTAAAGATTGCTGAA
GAGATAAGGGAAGATGCTACTCAAACCTTTGGTTGCATTACATCACCAGGGTGAGCAAATTACCAGGACTCATA
TGGTTGCTGCTGACATTGATTACGATCTCAGTCGGGGAGAGAAGCTGCTGGGAAATCTAGGAGGAATGTTCT
CTAAGACTTGGAAGCCAAAGAAAACTCGACCAATCTCGGGACCTATTATAAGCTCAGATGAAGTAAGAAGAA
AGGGCAACCACTTAGAGCAGAAGGAAAGGTTAGGATTGACTCATCATAAGGAGCGGACCAGTACAAAAGCT
GCATTTGCTGAACCTACCAATGCAATTCAAAAAGTTGAGGTAGAAAAGATGAAGCAAGATGATGCACTATCTG
ACATGAGCGATATCTTGGTACAGCTGAAGGAAATGGCTGTTGACATGGGTAGTGAAATGGACAGGCAGAAC
GTTGCTCTGGATCGTGCTTCTGTTTGATGTGAGGTGCTTGGTGACCGAGTTAAGATGCCAACCGACGCGGTCTG
TCGTTTGCTTGAAAA

>trans_s_1259 XM_002889463|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L23, mRNA

CTCTCAGTTTCTCGTTTTAGCCGGCAAAAATGTCGAAGCGAGGGCGCGGAGGATCTGCTGGTAACAAGTTTCAG
GATGTCACTGGGTCTGCCGGTGGCGGCGACGGTGAATTGTGCCGACAATACTGGAGCCAAGAACTTGACAT

CATCTCAGTTAAGGGTATCAAGGGGCGTTTGAACAGATTGCCATCGGCTTGTGTGGGAGATATGGTGATGGC
CACTGTCAAAAAGGGTAAGCCCGATCTCAGGAAGAAGGTCCTTCCTGCTGTCATTGTTAGGCAGCGCAAGCCA
TGGCGGCGAAAGGATGGGGTTTTTCATGTACTTCGAAGATAATGCAGGAGTGATTGTGAACCCTAAAGGTGAA
ATGAAGGGTTCGCAATTACTGGTCCTATTGGAAAGGAGTGTGCAGATTTGTGGCCTAGGATCGCCAGTGCA
GCCAATGCTATTGCTTAGTGTTACTCTAGAGCTCAAATCTTCTCCATTCTGTGGTTACAGCAGCTCATCATTTTT
GATATCCCAATGTTATAGTACTAATTTATTACCTCTTTTGATTGAGTGATTGATGCAATATTTTCGAGACTATG
AATTAGATTTTGAGTTGAAGGAATTTTCTCATTATTACACCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCC
CCCGCCCCCAAAACTTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCCGGACCCCATTTCCCCCTAAAGGGA
GCCAATTACCCCCCCCCCGGGCGCCTTTTACAACCCGGGACGGGAAAAACCCGGGGGTTCCCCAATTT
AACCCCTTGACCAAACCCCTTTTCCCAGTGGGGGAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCCAATCCCTTTCCCA
ACATTTGCCACCTGAAGGGCAAAGGGAACCCCTGTAGCGCCCTTAACCGCGCGGGGGGGGGGGT
TACCCAAGGGTGCCGCTACATTGCCAGCGCCTTACCCCTCTCTTCGTTTTCTTCTTTCTTTCTCCCC
ACTTCGCCGGTTTTT

>trans_s_1260 NM_001036050|Arabidopsis thaliana TOM2A (TOBAMOVIRUS MULTIPLICATION
2A); protein binding (TOM2A) mRNA, complete cds

AAATTCATTTTCTTTTTCTCTCTCTCATTTCAAGGTCCGCAAAGCGAGCAATCCGATAATCATCTTCTCTC
AATTTGGATCGGAAGTACATATAAGATGGCCTGCAGAGGGTGCTTTGAGTGCCTATTGAAGCTTTTGAATTC
TTCTTATCTCTGCTGGGTCTTGCCATGGTGGGCTATGGGATTTACTTGTGGTTGAGTACTTGAATCTTCTAGT
GATGTTCCAGGACCTTCCTTGAGTGGTGATCATGATCTGGTCCAGCTTGGTCGACCAATGCTAATGGCCGTGT
CTCTGTCTTCTAACATCTTTGATAACCTTCCAAAAGCCTGGTTCATATATTTGTTCAATTGCTACGGGAGTCATTG
TCTTTGTTGTCTCTTGTTTTGCTGTATTGGAGCTGCAACACGTAGTGGATGCTGTTAAAGTTGTTATTCGATTT
TATTGCTTCTACTGATTTTGGTGCAACTAGGATGTGCTGCCTTCATATTCTTTGACAAAATTGGAGAGATGAA
ATTCCTGGGGACAAAACAGGAACTTTGATAAGATCTATGAACCTCTGGAGAACAAGTGGAATCATCAGAT
GGGTTGCATTAGGAACTATAATTTTGAAGGCTCTCCTTTCTTGTGGCTCTTGTGGTTTCGTGCAGCAAACAGA
CCTGTAGACTATGACAGTGATGATGAGTACATTGCTCCAAGGCAACAAATCCGACAACCGTTGATCAATAGGC
CCGTTGCTCCAGCAACTGGTGTGCCTGTTGCTGGGACACTTGATCAACGACCAAGTCGAAATGATGCTTGGAG
TGCACGAATGAGGGAAAAAGTATGGGCTGGATACTTCGGAGTTCACGTACAACCCATCCGAGTCTCACAGGTTT
CAGCAAGTTGCTCCTCAGGCAGCCGAAGAAAAGAGCCGCTGCACCATCATGTGATAGAAGTATGCTTTGTACT
ATTTGTTTCTCACTCCACTGTGGTGTTTAGCGGGTCCAAATGCTTGTGCCCCTGTGTTCATTGTGTATAAC
CAAGAGGTTTTTCCAGAGGCTTTACTTGTGTAACTGAACTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_1261 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

CAACTTTTGAATTGGCGAAACAAGAACTTTATGTGAGAGTCGAAGCCCCAAAGGAGAATTGGGCATTTTTTT
GATAGGGGATCAGGGTGGTTTTCTTGAGGTGGAAATTCGCCCGCCGGGTTTTATCAATTTGCAAATCTT
CCTCAGTTAGTTAAAAGAAATGAAATTGGCTGATATTATGACAATACTAGGTAGCATAGATATCATTATGGGAG
AAGTTGATCGTTAAATGATAATTGATACATCAAGTCCAAGATATCAATCTTTTTCGAGATTGGAATCTT
AAGAGGGGAGATATGGAATCTATGGGTACTTGTCCCTATTTGACTACTGTATTGGGAATCACAATAGGCGTA
CTAGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCCGCAGGAATACAACAACGGATTGGACCTGAATATGCTGGT
CCTTTGGGAGTTCTTCAAGCTTTAGCAGATGGTACAAAACCTACTTTTTAAAGAAAATCTGCTTCCATCTAGAGG
TGATACTCGCTTATTCAGTATGGGACCATCCATAGCAGTCATATCACGGGGACTAAGCTATTTAGTAATTCCTT
TTGGTTATCGCCTTGTTTTAGCCGATCTACCTATCGGTGTTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTGTGCTCCCAT

CGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCCAATAATAAATATTCCTTCTTAGGTGGTCTACGAGCTGCTGCTCAAT
CAATTAGTTATGAAATACCATTAACCTCTATGTGTATTATCAATATCTCTACGTGTGATTCGTTGAGACATAAACT
TCTCCCACTTTTTTTTCGAGAAAAAGGGTGAAATGCATTGAATAGATATCCTCATTTTTATTTATTATTCGGAA
TAATGAAACTAATCAGATAGTTATATGAGTGAAAGAAAAACAGCTTATATAAATAAAAAATTAGCAGTCAAAATA
TTAAGTCTCATTTTCTATGTATAAGAGTTAAGCAGAAAAAAGCATAGGCGCAAGATAGCCGCAAGATTGGGCC
ACTAGATATCCTGTCTTGAAGCGGAATCTGAAGATCAAGCGGATTGAGTTTTCACTATTATTTTTAGGTACTAC
CATAT

>trans_s_1262 BT008313|Arabidopsis thaliana At5g48020 gene, complete cds

AAGCCAAAAATTTGGGCAGCAAAAATCACTCGTTGCGCTCTCTCAATCATCTTCTACTTTCTTCCTTCTTTGATG
GATTTGCCTGTGATCGATTTGGCCTCTTATCTAACGGCCTCATCGGCACTCGCCGCCGGCTCTCCGATCGACTT
TTCGCCCCAACTCACTTCTGTGCGAGTTAGTCAGTCGGACTCTGAAAGAAACCGGCGCACTTCTGGTAAAG
GATCCGAGATGCTCTGCCGAGGATAACGATCGATTCAATTGATATGATGGAAAGGTTCTTTGAAAAGCCAACTG
AGTTCAAGCGTCTGCAAGCGAGGCCTCATTTGCATTACCAGGTTGGGGTAACGCCAGAAGGAGTGGAATCC
CAAAAAGCCTGGTAGACGATGAAATGCAGGAAAATATAAGAGCAATGCCCAAGGAATCCAACCATTATTTCC
CAAGGGGCCGGATCCCAAGTGCGGATACATGTGGAGAGTGGGTCTCGCCCTTCAAATACCCGATTTAAGGA
ACTCAATGCTGAGCCGGTTATTCCTGAGGGTTTTCTGAATGGAAAGATACCATGGATTCTTGGGGTGTCAAG
ATGATATCTGCCATAGAGGCTGTTGCGGAAATGGCAGCAATTGGGTTTGGCTTGCCAGGGATGCATTCATT
CTCTGATGAAGCAGGGACCTCATCTTCTTGCTCCAACAGGAAGTGACCTTGATCGTCATGGTGAGGAGGGTAC
GGTCTTTGCAGGGTATCACTATGATCTGAATTTCTGACGATCCATGGCAGAAGCAGATTTCTGGTCTGTATA
TTTGCTGAGAAATGGGCAAAAAGTTGAAGTCAAGGTTCTATTGGGTGTCTTCTACACAGACTGGGAAACA
GATTGAATGGTTGACTGCTGGTGACTGCATAGCTGGCATGCATGAAGTAGTTGTCACAAAAAGGACAAGGGA
TGCAATTAAGCTCGCATCAGAGCAAAATCGCAGCCTCTGGAGAGTCTCTTCACTTTATTTGCCCATATAGCAT
CTGACGCCGTCTTGAAGCCTCTTGGCCACTTTGCTGAATCTTCACATGCCAACAAGTATCCACCTATGTTGGCA
GGAGCATATGTTG

>trans_s_1263 NM_001068584|Oryza sativa Japonica Group Os08g0478100 (Os08g0478100)
mRNA, complete cds

AATTAGCTATAATAAAGCCAAAGGCCAAAAGAAACCTTTATTTTTGTATTGAAACGACGTCGGAGATGGTAGTA
ACCAAAAGGAAAGGAGATCGATTGCCCTCATCTTGTCCGAGAGAATCGGAGGTTTCATCAAATGCCTGT
GGCAATTGCAATTGCGGCAGCGCCAAGTTTTCGTCACTTCAAGAACTTAACTCAATACTCGATTATCTTCCT
CACTGGGCGCCATTCATCGAGAGAGGAAAGCTATGGTCGCAACAGCCAGTAGCAGTAGCCGAAATGCTGGC
GCATACACCACCATTAAGAGATTGTAAGATTGAAAAAGAAATCAAGAAAAACAAGTTCATCGCTATCGCTG
GCCCTGTCTCCAACGAGCAATCTGCCTTCTTTTTCTCTCCAGGTGCGGGATCCGCGAGCTACCCACAATTGC
TGGGCGTATCAGGTTGGAGATCAATATAGGTCTAATGATGATGGCGAGCCATCTGGTACAGCTGGAAAACCA
ATTCATTCTGCTATTGTTTCTCAGGTATTGACAGAGTCATGGTGGTTGTGATCAGGTATTTTGGAGGTATCAA
ACTTGGCACTGGGGGACTAGTCAGGGCTTATGGAGGAGTAGCTTCCGAATGCCTGAAGAGTGCCCAAACATG
TGTTGTGAAATCTAAGGTTCCAATGGGTGTGGAGGTACCATTTGATCTTTTAGGGGTCTTGTACCACCAGTTGC
AATCTTTTCAAGTTGAGGACATTAAGCAGGATTATGACAGTGGTAAAGATGGTATTACTATGGTGACATTCAA
GGTTGATTTGATTGTGTTGAGAAGTTGGAGGATGCTATCAAATCTAACTGTAGCCGTGAATTAGTCTTTTACA
AGCGATAAGTTATACAGCTACTCATTGTACATGAATGCAGAGAAGGGAGGTACACATCAATATAAAGATGAA
ATCAAGTGCGCATACAATTAATGGTGGGTGGTATGAGGTAGGTGACTGATGCCTTTGTACAACCTAGTTACATT
GCAGAATAAAGTAGAAGTCCTTTGTAAAATACATTTCCCATACTAATAAATATTGAATTTGTCCNAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1264 GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

ACACTACTTCCATTTTCTTCCCCATTGTAACCTCTTTTTTCTCTTTCCTTCTCTTTTCTCTCCACAGCCATGGATCC
TTACAAGTACCGCCCATCAAGTGCGTACAACACCCCATCTGCACCACAACTCCGGCGCACCGATATGGAAC
AACACCGCCGTAATGTCCGTCCGAGAACGCGGCCCAATCCAGTTAGAAGATTACCAACTCATCGAGAAAATCG
CCACCTTCACCCGCGAAAGAATCCCCGAACGAGTAGTCCACGCTCGTGGTGCCAGCGCCAAAGGTTTCTTCGA
AGTAACCCACGACATCTCCGACTTAACCTGCGCCGACTTCTCAGAGCCCCAGGCGTCCAAACCCCGTCATCG
TCCGTTTCTCCACCGTCATCCACGAACGTGGCAGCCCCGAAACCAACGTGACCCCGTGATTGCGCGTCAA
ATTCTACACGCGTGAAGGCAACTTCGATTTAGTCGGCAACAACCTCCCGGTCTTCTTCGTTCTGTATGCCATGC
AATTCCCTGAAGTAATCCGTGCCTTTAAACCAACCCGAAATCCCACATCCAAGAACCATGGAGATTCTGGAT
TTCTGCTCTTACCATCCCGAAAGCCTTCTGTCTTTTGCTTGGTTTTACGGTAGTACTAATGCTCCAAGAAATTAC
CGTCACATGGAAGGGTTCGGCGTACAAGCATATTCCTAATCAACAAATCCGGTAAAGCCCGTCTCGTGAAAT
TCCACTGGAACCAACTTGCGGGGTAAAGAGCATGTTGGAAGAGGAGGCGGTTAGAATTGGTGGGACGAAT
CACAGTCACGCCACACAGGATTTGTACGAGTCGATTGCGGCAGGGAATTTCCGGAGTGGAAGCTTTACATAC
AGACTATTGATTATGAGGATCAGAATAATTATGATTTTGAGCCGTTGGATACGACGATACAATGGCCGGAGG
ATGTGATTCCGTTACAGCCGGTGGGGAGATTGGTGTGTGCGGACCGCGTGATAATTTCTTTGCGGAGAATG
AGATGTTGGCTTCTCCATGTCGTTGGTGCCGGGGATACATTATTCGGATCTATTCTACAACGTTCTGTTCTCG
AAACGCATA

>trans_s_1265 XM_002313376|Populus trichocarpa copper transporter, mRNA

ATTCAATACTGAAACAGACGGCGTTCTTATCACTTATCACAAACCAATCGCCCTTCCCAATACCACACACGAAG
ATTTCCCGGCACCGTAGCTGCCATGGACGCTGCCGCCGAAGCTCACAACCACCATATGCACGGCATGACACCG
CCACCGGACTCCTCCACCGCATCCCCGAAATGATGCACCACAAGATGATGATGCACATGACCTTCTTTTGGG
GAATCAACGCCGAGATTCTGTTCCATCGCTGGCCTGGCGAGCGCTCCGGCATGTACGCTTTAGCCTTAATCTTG
ATCTTCGTGCTTGCTTTTCTCGTGAATGGCTTACACATTGCCGATTGATTAAGGAAGATTCGAGCCAGGCGGC
GGCAGGATTGATCCGACTCTGATGCATACGGTTAGGGTTGGATTAGCGTATTTAGTGATGCTTGCGGTGAT
GTCGTTCAATGTTGGAGTGCTTTTGGTTGCAATTGGTGGACATTGCTTGGGATTTTTCTTGTTGGGAGTAGAT
TTTTCAAGAGATCGGAAGCCGTTTCTGGTAAATCCTCTGATCTTCTCCTCTTAGTTGTTGATGAAGGGATAAC
GTGGGAATCTGGAATTGAGATTAAATATTATAATAGTGTATTGAATGTTTGATGAATTTTTCTTGATTGGA
TTAGAAACGAAATTTGTTGTTGGAATCTTTGCAGCTTATGTCAAGTTGTAAACGGAAGAGGGGAAATGGTAA
ATTGGAATGCTTTGGATTGAGATTTAGGGATAATTCATCATGTAATTTTTCTATTCTACTGTTTCATCGTTTT
GATTTAGGATTCTTAATTTTGAATTGTAAGCAAGAACTATGAAGATATTCCATAAGATTTTTAGTGGTGTGTA
GGATTCATAGTCGTTGTCTAAACTTACAATCCGTGAGTGTTAGCGTTCATATGCATAATACAGATAGATATAT
GTTGCTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_1266 NM_118901|Arabidopsis thaliana PEL1 (PELOTA); translation release factor (PEL1)
mRNA, complete cds

CTCTATATGTGATTGAAGTCGTTACTCTTACAATAGAGAGAGGCATTGAAACCTCATATTGGAAATTCAGACT
CTCTATTGAAATCATGAAGATCGTACGCAACAGCTTGATCCAAATGGAGCTGGTAGCGTCAAGATGGTGCCG
GTTGATTGAGATGATCTATGGCATGCGTTCAATCTGATAGCTCCGGGAGACACTGTTATGGCTGTCACCGTTA
GAAAAGTCATCAAAGAGAAGGCTTCTGGAGGAAGAGATGCAGAACGAGTGAAACTCAAGCTAGAAATAAAA
GTTGAGGAGGTGGCAGATTATGACAAAGTTGGCTCTATTCTGCGGATACGTGGAAAAAATATTCTTGAAAT
GAGCATGTGAAGATTGGGGCTTACCATACTCTAGAACTTGAGCTGAATCGGCCATTTGTCTTGAGAAAGGATG

TTTGGGACTCTTTTGCCTAGATGTACTCCATCAAGCTTCTGATCCTGCTGCTAGTGCTGATTGGCTGTGGTTT
TAATGCAAGAAGGACTGGCGCATGTTCTCCTTGTTGGAAAAAGTATGACAATTACTCGAGCTCGAATAGAAAC
TTCAATTCCTCGCAAGCATGGGCCGGCTATTGCTGGTTATGAGTCAGCCTTGAATAAATCTTCGACAATGTTT
TGCAGGCTTTCTTGAAGTATGTTGATTTAATGTGGTGCGCTGTGCAGTGATAGCTAGTCTGGATTACAAAAG
GACCAGTTCATCGACACTTATTATTGGAAGCCGAAAGAAGACAGCTAAGACCTATTATTGAGAATAAATCTC
GCATAGTTCCTGTACATACAACCTCAGGATACAAGCATAGTTTACGAGAGGTTTTGGATGCTTCAAATGTCATG
AATATGATAAAAAGACACTAAAGCTGCTCAGGAGGTGCGAGCTCTAAAGGACTTTTTTCAGCATGCTCTCTAATG
ATCCAGACCGTGCTTGTTATGGACCGAAACATGTGGAGGTTGCCCATGAACGACTGGCTATTCAAACGTTGCT
CATTACTGATGATCTCTTCAGGAATAATGATATAACGGAGCGACAAAAGTATGTCAATTTGGTTGATTCAGTTA
GAGATTCGGG

>trans_s_1267 AY105565|Zea mays PCO103958 mRNA sequence

CTTTGAGTCCCCTTCCATTTTCTCTCTCGACCTTCTCTCCATCGTTCAAGGAACCCTAGACTCGTCTTTACTCCGA
GAGCCCTCGTCATATCAAGATGGGTATTTCCCGTGATTCTATGCACAAAAGGCGTGCCACTGGAGGAAAGAA
GAAGGCTTGAGGAAGAAGAGAAAGTATGAGCTTGGAAGGCAACCTGCCAACACCAAGTTATCCAGTGACA
AGTCAATCAGGAGGATTAGAGTTCGAGGGGGTAATGTGAAGTGGCGTGCGTTTAGGCTGGATACTGGAAAC
TACTCTTGGGGTAGTGAGGCCGTGACTAGAAAGACCCGTATTCTTGATGTGGTCTACAATGCATCTAACAATG
AGCTTGTTCTGACTCAAACCTTAGTGAAGAGTGCCATAGTTCAAGTTGATGCAGCACCATTAAAGCAGTGGTA
TCTTCAGCATTATGGAGTGGATATTGGCAGGAAGAAGAAGACCTCTGCATCTGCTAAGAAGGAAGAGGAAG
GCGATGCTGGCACTGAGGAGGTAAAAAAGAGTAACCATGTCCAGCGCAAATAGAGAAAACGTCAGCAGGAC
CGTAAGCTCGACCCACATATTGAAGAACAATTCAGCAGTGGTCGTTTAATGGCTTGATCTCATCAAGGCCCG
GTCAATGCGGCCGAGCAGATGGATATATCTTGAGGGCAAAGAGCTCGAATTCTATATGAAGAAGCTCCAAA
GAAAGAAGGGAAAAGGAGCTGGTGCTGCTTAAATTTTGTTATGGCTTCAGCCAGTATTTCTGTTTTCACTCTT
TTCTTATGAAGACAACGAGTTGTTGCAGCTATTTTGGAACTTTGATTTTGCTGGTAATAGTTTAAATTATAGTACT
TTTGACATTTTTCATGTTAACAACAGTTCGCTTATTAGCTTGAGTTTAAAGTTCTAAATTCTTAGTCAATTTATGTA
AGCGGGTTGGTTTGGTTGTTTGATCTAGAATTTATAGAAGTACAAATGGATTATAGAGTGATTTAAACTCCCAT
TGCTTCTCTTAAACCAATTCGCTGAAGTTCCCACTTTATAATTTTTGTTATGTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_1268 AB021873|Pisum sativum RSP mRNA for ribosome-sedimenting protein, complete
cds

ATCGAATTTTCTCTCTCTAAAACCATTTCTCTCCCCGTTTCTAATCGATTCCGTTCTTCCAATAATGTCTTCCGC
CGCCGATCCCGTTGTCTCATCCGACGCTCCCGCTGCCGAGATGCAGCGGTGGCCAGCCAGCTGAGAACGAT
TCGAAGTCCAAGAAAGCTGCGGCATCAAAGCATCGAAGGCCAAGAAACCATCTGGTGCGAAGAAGGCTAG
ATCTTCTCCGACTCACCTCCGTTCTTCAGATGATTAGCGAAGCGATCGTTTCTCTGAAGGAGAGAACCGGCT
CGAGTCAGTACGCCATTACGAAGTTCACCGAAGAGAAACACAAACAATTGCCTTCCAATTTAGGAAGCTTTT
GCTCGTTCATCTCAAGAACTAGTCGCCGCTGATAAACTCGTTAAGGTAAAGAACTCTATAAGCTTCCATCGG
CTCGTTCTATTCAAGCGAAAGCCGCAGCAGCAGCACCAGTCGCCACCAAGAAGCCTGTAAGCTCAAAGCTCAA
AGCAGTAGCAAGCATCAAGAAACCCGCCGTTGCCAAACCGAAAGCCAAAACCTGCTGCAAAATCGAAGCCGAA
AGCTGTAGCGAAGCCGAAGCCGAAGACAGTCACTAAATCCAAGACCGTCGCAAAACCAAAAACCGCCGCCAA
GACGAAGGCAGCTGAGAAGGTTAAGAAGTTGCTCCGAAACCTAAAGCGGGAGCCAAGGCTACGAAAGTAG
CGAAAACACTGTCGCGAACGTCGCCAGGAAAGAGAGCTGCACCGGCGGCAAAAGCGAAGAAGGTAGCAGC
GAAGAAGCCAAAGACGGTAAAGTCGCCGGCGAGGAAAGTCCAGGCAAGGAAAGTCAAGAAATGAATTATGT
GCTTAGGGGTTTTTGATTAATTTCTAGGGTTTTCTTTTCTCTGGTACTTATCAATAGTACGTAGCAATGTAAAT

TAGGGGATATGATATGAGATGCAACCGTTCGTTGTTATACAATATTTTTATCAAATGTTAGTTTGGTAAATTCA
ATGGTCTTTTTCTTTGAATGAAATGAGTGATCATCTCTTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1269 FJ534642 | Glycine max Aux/IAA protein (SLR1) mRNA, complete cds

ACCCCAAATTTCCAAATTATCATAACATAAAAAAGAGAAAGGATCAAGAAAGTGGCAAGCCAAATTAAAAAG
CTCTCTAATTTTCTCTGCCTTATTACCGGAACAACAACCTTCCATGGAGGTTAGCCGCAAAATGGTCAACATGCT
GGAAACTGATCTCTGTCTCGGCCTTCCCGGCGGTGGCGCCGAGCCCGAGACTCCCAAAGCAAATGGAAAAAG
AGGGTTCTCTGAAACCGTTGATCTGAAACTCAATATCCAATCTAAGACTGGAGTTACCGTCGATCTGACTCCAA
AGAATAGTGATACTTCGACTGATGAGGAGAATCTCATAACCTCTAAAGATCCTGCAAAGCCACCTGCCAAGGC
ACAAGTTGTGGGATGGCCACCCGTGCGATCCTACCGGAAGAATGCGATGTCTCAAAAGAGCCCTGACTCCGG
AGAAAAAGGCGGAAGCAGCGCGGTTAGCTATGTTTGTCAAAGTTTGATGGATGGCGCACCTTATCTGCG
AAAGGTCGACCTGAAGATGTACAAAAGCTACCAAGAGCTCTCGAACGCCTTGGCCAAGATGTTGAGCTCCTTC
ACCATGGCCGGTGACTATGGGGCCCAAGGAATGATAGACTTCATGAATGAAAGCAAGTTGATGGATCTTCTG
AACAGCTCTGAGTATGTGCCAACTTATGAAGATAAGGATGGTGATTGGATGCTGGTTGGAGATGTACCTTGG
GAGATGTTTGTGACTCATGCAAGCGCTTAAGGATAATGAAAGGATCAGAAGCTATTGGACTTGCCCCAAGA
GCAATGGAAAAATGCAAAAGCAGAAGCTAAAGAGGGCGGTGGTTCCATGATTTGGTCGACCATAATTAAGC
AACAAAGAAGGAGGCAAGACAGATGGATCGAGCATATGGATCCTGTTTGATTGCAATGTCTCTACTTTTTTTC
TCTTTTTTTTTCTTTAATTTAATTTAATGTTTTATGATTTCGTATATAGATATTAAAGAGATTTGGGACATTA
ATTAATTTGTAATAGCCAAACAAGGAAGGAAAAAAAAAAAAATAAACTCTCTCTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1270 NM_001070466 | Oryza sativa Japonica Group Os09g0560900 (Os09g0560900)
mRNA, complete cds

AGTGACGCATCTGGGTACCGACTTTTCTACAATTGGAAATCAAGTTGCAAACATTCCAGGTGGAATACTAAGC
AATTCACACTCCTATGCTTCGGTACCAAATACAGGTGGTCCTTCTTCCGGTCCACCTCCTGTAATTGCAAATAAA
GCTCCTACTCAACCATCAAGAAATGAAGTATATTTGGTTTGGGATGATGAGGCAATGTCTATGGAGGAGAGA
AGAATGTCCTTAATAAGTATCAGGTGCATGATGAACTAGCCAGGTAAGTTATACTACAACCTAAATAACAC
GTGCGGTAGGCTATACATGTTTCTGATTTTGGATTCTTTGTGATATACATTTGGAAATGTAGGATGTGTACGAA
TCTGACTTTTAATTAATTTACAATTTATATAATGTCTTTTCTTAGAACCTTGAGCCTGAACTCACTTTTGCCTT
GAAATTCATCATCAAATGTAAATGCTGTTTTCTTTAACTGACATTTTCCAGTTTGCACGCCATACCACCAAATC
TTGTGGGCATCAAAAGGCTCAAGTAGGTATTTATGTTATCCCACTTACGTGTGTATATAAAACCTTTCCAAATC
TTGCTGTAAGAAGTTTCTACCTATTGTAACAATATGATTAAGAACGTAGTATATTCAATTCTTCCTTTTGGCTTT
TCAATCTATTATATGTGATTCACCTCTCCCTATGCTTGATGCCAAAGTGTTGGGAATTGGGTGGAACAAGATTAT
ACCCTACAGATTTTTGCTCATTCTGATGATCATTACAATTTATTTATGATCGATCAGTGAATACGACTTTGACC
AGATGAGTTCAATTGATGCAGCCATAGACAAACGAATCTTGAAAGCAGGCTTGCTGGCCGAATGCCATTTTA
GTTCAAGCCATGAAGACAGTTTCATGAAGCTCCTCCACATAGGTCGTTGCTTGGCTGCTGTAGGTTTCAGAAG
AAGCTATGACATTTGTAAGTCACCAGGGAATGTTGGGAACATATTTTCTTCACAGATTAACCTCAAAACATCTCA
TTGAATTCATTGCCATAAATTGGATAGGACAGGACAGAGTTCTCTTTTCATGTTTATGTTGTCTAGGCGAT

>trans_s_1271 XM_002877505 | Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GAACCTCATATATCCTAAACCATGGCTCTTGCGTAGCATGAATGTTCTCTAAGTTTGGATAATTTGTAATGGAA
GAGCAAGAGGATAATAAAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCTTCCCCAAAGGATTTCTCTTGCT
TATGTTGAACAGGTGAACACAGATTTGATCATGGCCTTGGCAATGCAGCAGCAGGAGCATGAGATGGCCTAT

ACGACGCTCGAGACCATTGCAAGCGAAAGCGAAGAAGACGAAAGTTCAGATTCCAACAGCAATAATGGTCTC
AATACAAATGCCGCCTCACAAAGGGAAGAACTTATATGCCGGTGGGCATTTCCGGATGAAAATGAATATATG
GAAGGAAATGAAGATGGGGATTATGAGGGTTCTGATATGGACGAGCTAAATGAAGATATGGAAGAAGATGA
AGATGGGGATTTTCGAGGGTTTTGATCTGGATGAGCTAACTTATGAGGAGTTGATTGCATTAGGGGAGTTCATT
GGGGAAGAAAAGAGGGGCCTACCGATAAACGAAATACCTTCATGCTTGCACTCGAGCAAGTTCAAACCATC
GAAAACAAAAGTGGAATAGATCGGTGTGTGATCTGCCAAGTTGAATATGATGACGGTGAAGAATTGGCTGCT
CTTCCTTGTGAGCATCCTTATCATTGAGAATGTATAGGCGAATGGCTTCAAATCAAAGGGTTTGTCCCATTGT
GGCACAGAAGTTTCATCCCCCAATGGTTCTAAAAATGAATGATCTCAAACCAATTGGTGGACAACCTTGCAAA
ATGGGGGAAAAGGTCAGATAAATGTTCATAGTTTGTTCATTTAATTGAAAGGAAATGTTAAGAACTTAAAAAA
GAAGATGGGAAAGGCTTCTTTATATTTTTATTTGTTTTTAAAAGCCAACATCTCATTCTTTGGAAGCCTCTTTAG
GTTTCATTATGTTTTAAATTGTTTGTATTACGATTGTTGTAATTAAGTACTTCTCTTTAAATTATTTTCCTCATC
AAATTCATAGGAACAAAATTTAGGTAACAGATATACTTCATGTAATTATTTTAGATGAAGCAAAATATGTGAG
GAAAAAGGTCTG

>trans_s_1272 XM_002871725|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphoglucosamine mutase family
protein, mRNA

AAGAAACAACCACCAGTTGAATTGCCATTTAGGAGTGATTCTTCCCATATATTTAGCATGCCAAGCTTTCAAT
CTAACGAAGACAAATCGGCATCTCCCATCCTCCATCCTTCAACCATCCTAAGGCACCTGCTCGGCTGATGAAC
CCGACTCCACCCTTCAGGGTATCAGGACTTGGAATTCCCGAAGATGACCAGAAAATGATTTCTGACCTCTTGA
GTTTCTATGATTCTAACCTCCAACAGGACAAACATTTGAATTCCTTGACAGCAGCTAGGACTGTAAGGCCGAGT
TTTATGGCGTCGTCATTGCTTGGTGCCTCGATGTTAAGAGGAAGTACAGGATCATGCAATGAGAGTCTTAGAA
GGAACCAACCAACCAATCCAGAAACCCGAACCCCTTCATAGTTAACAGGAGCTTTCACAAGCTTGGGATCAG
AAGCAACAAGATTCTCAACATGTTTCAGCACTGCTTCTCCATAATCGCGGAAGGGTCTCCTTGAAGGTCTGG
ATGGTTTTGATTTATTTTTAAACGCAACTCAACAGCAACAGCAGGCTCTTGTAACCTTCCACCAGATCGGTCA
AACTTGGCTCCCACCACCTAATCCTGAGGCTCTTGTTGATGCAAGTTTGTTCAAAATTTGACCATGAGATAT
GCGCCATCATCAAGCCAATGGTTCTCCTTAAGAGCTCCATGACCACTGGTTTCAATAGCCAAATGTGACTCCTC
ACCAATAGAATTCAGGCGGATAGCTTCATCAATGACATTTTTGTAGCCTCTTTGAACCTGTGATGTTTTCCCCC
AAGTTTCTTCTCTATAACAAGGTTAGGCCATCAGAGGTCACACTGTCTGTAACAATAGTGGTGGCAGGATGC
TCCTCAAGAACAATGGAAGACATCAAGGCGATTAAGCGATTCCGGTTAACTCACGTCCATTAGAATCCACAG
CAGCAGATCTGTCAACATCTGTGTCAAAGATGATCCCTAAATCAGCTTTGTTGTGAAGGACAGCCTCTGTTATG
GCTCTCATTGCTGTCTTGTCTCGGGATTTGGTATATGGTTTGAAATAAACCATCTGGCTCCAAGAACTGACT
AC

>trans_s_1273 XM_002300986|Populus trichocarpa serine hydroxymethyltransferase 4 (SHMT4),
mRNA

TAAGCTTGAAGAAAAGGCGCTCGATTATCGTCCGAAAATACTCATCTGTGGAGGAAGTTCGTATCCACGCGAG
TGGGATTATGCTAGGTGTAGACATATCGCGGACAAATGCGGAGCGGTTTTGATGTGTGATATGGCCCATATA
AGCGGTCTGGTGGCAGCCAAGGAATGTGCTAGTCCGTTTGAATATTGTGATATAGTTACTTCAACAACACACA
AAAGTCTTCGAGGGCCCAGAGGAGGAATCATATTTTTCAGGAGGGGTCTAAAATCAAGGAAGCAAGGCGTG
CTTCTAACTCATGGAGATGACAATCGCAATACCACTTATGATTTTGAGGACAGGATAAACTTTTCTGTCTTCCC
ATCGTTACAAGGGGGTCCCCATAATAATCATATTGCTGCCCTCGCCATAGCGTTAAAGCAAGTAGCTTCTCCTG
AGTATAGAGTATATATTCGACAGGTGAAGAAAAATGCGCAGGCTTTAGCATCAGCTTTACTAAGAAGAAATTG
CAGATTGGTAACTAATGGTACTGACAATCATTTGTTGCTGTGGGATCTTACTCCTTTGGGACTAACAGCCAAGA
ATTATGAGATGATCTGCGAGGCATGTCATATAACAGTCAACAAGAGTGCCATCTATGGTGACAATGGAGCCAT

TTCCCCTGGAGGAGTGAGGATAGGCACTCCTGCAATGACGACTAGAGGCTGTCTAGAGGCTGATTTTGAGAC
AATAGCTGAGATTCTTCTTAAAGCAGCTCATATCACAAAAATAGTCATTCTGAGAGGAAAGCTTGGAAAATTA
CATAAAGATATCATGAAGAATCTACAAAACAACAAAGATATTGTGGAGCTTCGGAACCGGGTCGAGACCTTTG
CTGCTTCATTTGCAATGTCAGGATTTGATATTTGAATATGTGAGCTTCTTGCTTGCTGCTATATACAACCACTTC
ATTTGGTCACACTAAACATTGAATTCATGTCCTTGTAATTATAGGAACTACATAGTACTTAGTGCTGCACAA
AAAGGTCGAGGTTTGACATGTATCATTCTATACTTGTAACAAGTGAAATCTTAGGTTATAACAAGAAATTTTC
AAGTCAAAAT

>trans_s_1274 EF197847|Capsella rubella miR319a microRNA locus, genomic sequence

TATTTGAATACAATTAAGAGGACTGTAAATACCTTTGCCCTGCCGATATTATCCCCCATATATCGATGTCGAT
CTGAGTGAGTTAGATGTTGGCCAGAAGTTGGTTATGGGTGACCTCAAGGTTTCATCTGCGTTAAAGCTTGTTA
AGTCAAAGGACGAGCCTGTTTGTAAGATTGCGGGAGCCAGAGTTTCTGATCAACAAAAGAAATCAAATAGA
GTCCATTGGATTATCAATTTCCATGTTGATTGGGCATTAAAGCTTCTTTTGTTAAGGACGGCGAGCCTGTTTGT
AAGATTATGGGAGCCTGGATTTTCTGACCAGCCAAAGAAATCTAAATAAAACCCTCCAGATTTTGATAGTCCTT
GATTTAAAAATTTTCTCCCGATATTTTAGCTGTTCTTGTGAAGCACATTGCCTTTTTTATGGTTCATTAGCATT
ATTGGATTTTTCTCTGTTTCATGCAATGCTTGAACCTCTGCTAAGTGACAAAATATTCCCTCTTTATTATTATCATT
TTTTTAGAAGGGGAAGGAGCGTTGGTTTATAATGGAAAGAAGCATTGTAAACATATTATGCATCTTCTCCTTGC
CTTGATAATGTTATTACAGGGTGCAATGGGAGATTTGGACAAAAAGGGTTGAGAAAAAACAATAACAAAAG
GATGCGGAAAGATAGTTGCCAGCAGAGTTTTGCTGTCTCCTTGTGGAGACTGATATAAGGATAATGAAGTTTG
TTTACTGATGGACTAAAAGAATATGGGTAATTGTAGCACTCAAAATGATAATATTAGGGGTATAATATCAGT
TTTAAAGAATTGCAATATATTTGATTAGCAAAATCTATTAGTTCTTGTTAGTGACAGAATCTACATATTACTAA
AACTTTGAAACAACGAACCTTGAACATTGTTGTATTGCAATTTTTTTTTTTTTTTTTTGCATTGAGCTAATTT
GTACTTGACAGTCACCTTTGAGGTGAATCTTATTTGTAATTGCACTTAGTATGACCTTTGGGACAGAGACTTAG
TTTAGTTTCATTTATGGTTTAAATTAATAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1275 NM_111102|Arabidopsis thaliana GAUT9 (Galacturonosyltransferase 9);
polygalacturonate 4-alpha-galacturonosyltransferase/ transferase, transferring glycosyl g> (GAUT9)
mRNA, complete cds

AAGGTATGGTTTAAGATGAGGCCAGTGGAAGAGGAGCTCATATTGAAATAAAGGCTGTGGGAGATTTTATC
TTCTTGAACCTCGTCATATGTTCCATTGTTAAGGCAACAAGAGTTGGCAAACCTCACAAAAGCCTTCTCCGACAA
CACAGTAAAAATTTAAGAATCCTAAGGATACATCCCTACTTAATCACCTTCGTTTTATTTGCCTGAAATGTTTCC
TAAGTTGCAGAAAATCATATTCTTGAAGATGATGTGGTTGTTGAGAAAGATTTAACAGGATTGTGGAAGATA
GATTTGGACGGGAGGGTAAATGGTGCAGTTGAGACTTGCTTTGGGTCTTTCATCGATTGCTCATTATTTGA
ATTTCTCAAACCCTCTAATCAAGGAGAAGTTTAATGCCAAGGCATGTGCCTGGTCTTATGGGATAAATATATT
GATCTTGATGCTTGGAGAAGCGAGAAATGTACGGAAGAATACAATTATTGGCAGAACTTGAATGAGGACGGA
TCTTTGTGGAGTGGGGGAACCTTCCACCTGGTCTAATCACGTTCTACTCAAAAACAAAGTCTTTGGACAGATC
TTGGCACGTGCTTGGTCTTGGTTATAATCCCAGTATAAGCATGGATGCTATCAGCAATGCTGCAGTCATTCATT
ACAATGGAAACATGAAACCTTGGCTCGATATTGCCATGAACCAAGTATAAAGGTTTTTGGACCAAATATGTGGA
CAGTGATATGGAATTTGTGCAGGTGTGCAATTTGGACTTTAGATGAGCTTGTAGTTGCTGTCACCAATCAGG
TACATAAAAGAATTTAGTTTCTTATAGTTTCTTTCATGATTATTGCTTAAAGTTTTGAATTCCTCATCAGCTGTTA
TGTCTGGAGCAAAGCTTTGTAATATAGCCAATATATTTTTCTTAAATCACATGAATGTTACAGACAATTTAACT
CAACACTGGATAGGCTCCAATGTTTCAAGCCAGGATTCTATCACCAGTGAAATTGGACGAGCTTTTTTTAAATA
TATAAAAAACATGATTTCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_1276 NM_001054911|Oryza sativa Japonica Group Os02g0794400 (Os02g0794400)
mRNA, complete cds

ATCCCAATCCTCCGCCGCTTCCACCACCACCTCCCCGCCGCTGCCCCAACTTCCTCCTCTTCCACTACTCCCTTC
CGAACCTCAACTCCCTCTCTTCCCATCTCCTCCTCTTAATTCCAATGCCTTCAAACCTCCGCCTTCACAAATCCA
ACTCTCTACGTCTCGTCTTTTCTTTCCCGTTTCTCTCCGATTTCGTACTTCTGTATTCGCTCGACTCGGCGGCGC
TCCTCGATCTTCAGGACCGCCTGATTCTAAGCGCTCTAACGATGAATTTGGTCTCGATGTTTCCGCCATCAGGT
CAAATAATGTGAGGCTTATCGATGCTCAACAGAATATGGTTGGAGTTGTGTGCAAGGCCAGGCCATTAGAT
GGCTGAAGACGCTGAACCTTGATTTGGTTGATTATCTCCTGATGCAGATCCTCCGTTTGTGAGAATAATGGATT
ACAATAAATATAGGTATGAACTGCAAAAAAGAAAAGAGGACAACAGAAGAAAAGTGCTGCAACTCGCATG
GATTTGAAAGAGCTTAAAATGGGTTACAACATCGACCAACATGATTACTCTGTCCGTTTGAAAGCCGCAAAGA
AATTTTAAAAGATGGAGACAAGGTTAAAGTTATAGTGAACTGAAAGGTCGTGAAAATGAGTTCAGAAACA
TAGCAATTGAGCTCATCAGACGTTTCCAGGAAGAAGTTGGGGAGCTTGCAACCGAAGAGGCCAAAACTTCA
GAGACAGGAATATATTTATTGTTCTAGTCCCTAACAAGGCTGTTCTTCAAAGGCTCAAGAACCTCCCAAGAA
AAAAGATAAACCTGCAGTTAATGAAGTTTCTGCTGGTGTGTTAAGCTCAGGAATCGTCGAGCTTTCGCCAAAAA
TAGATGGGTTAGTTGCAACATTCTAAATCTTCTTACCATATAGAAAATTTGAGAGTTTAAATGTATAATGTTTT
TGTTAATCTTATGCATCAAACCTGTTGTTGCTCTATTTTTTTAGTGGAATGTTAGAAATCAGACGTGTTACTA
ATTCTTTAGAAAACATCAATTCATATAACCGTCCTTTGCTCTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1277 NM_120230|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT5G01520) mRNA, complete cds

TTGTTGGCTAAGCGAGAGAAAAAGCCAAGTGAGTCCCACTTCCTTTCTCTACGGCTGTTCTTCACTTCTCGAAT
TGCTAAATTTTGCTCCGAAAACCTTTTTTCGCCGAAGAACTGCAACATAGAAAGGGGATTTCATAATCTCATC
ATTTTCATAATTTTCATATTTTGATTCTTTTATAGAGGTGAACCGTTGAAGTCGAACGAGGTGGAATGAATT
CTCGCTCGTAGATTGCGGAGATGATGAGGTAGGAGTTGTTGCTGCTGATACTAGAAGTGGGGAAGGGGAGT
TTTTTGGTGTGGAATTAACCTCAAAATGCGAAAATCTTTCAAGGATTCCCTTAAGGCACTCGAGGCTGATATTC
AGTTTCGCCAATACCTTGGCTTCTGATTATCCCAAGGAATACGATGGAGCATGCCTGCAAATGAGATTATCCTAT
AGCCCGGCTGCACAGTTTTTCTTCTTCTCGTGAATGGACTGATTGTCATCTTGCTGGTGCATTGGGCCTGCTC
AGAATTCTAATATATAAGGCATATGAAGACGGGAAGACTACCATGTCTATTCAAGAAAGAAAGGCTAGTCTCA
AAGAGTTCTATGGGGTGATATTTCTTCGCTAGTGCAACTTCAAAGAGGAATTACTGACATAGAAGAAAGAAA
ACAGAGAGAAGTTTATGCTGCAAAATACAGAAGAACAGATCCTTTGAACAAAGGAAAGATCTCTGAAATCGA
CATGGAAAGAGAGGAAGAATGTGGTATTTGCATGGAGCTAAACACCAAGGTTGTCTTGCCTAATTGCAATCAT
TCAATGTGCATGAAGTGCTACAGGAGTTGGCGCACTCGTTCGCAATCATGCCCTTCTGCCGTGACAGTCTCA
AAAGAGTCAACTCTGGAGATCTTTGGATATGTACCAGTAGTAGTGAAATCGTCGACTTATCCTTCATCTCTAGG
GAAAATCTGAAGAGGCTTTTCATGTTTCAATAAGTTGCCTCTCATTGTTTCTGATCCAAAACCTCATCTCTTAT
TATCTGAATCATTATTGAACACTCCAGGCTTGTCGGGAAGTAATTTGTAAATAAAGACCCATTACCCTTGTTGT
GC

>trans_s_1278 NM_001048320|Oryza sativa Japonica Group Os01g0107900 (Os01g0107900)
mRNA, partial cds

ATTTCCGAGCTTATGCCAGCTGATGGCGCCAAAGTATTTGGGGTGTTGATAAGGTTTCTCCGAAGATTTCAA
GGAATGTTTCGAGAGATAGTCAAAAGGGCAGTCAGTCAAGCACAGAAGCGGAGTAACTATCTGAATATACTA
CCTTCAATCGGATTACTACAGCGAGTGGAGACCTAGATCCATTTGATGGTCTCTATGTTGGTGCATTTGGCCCT
TATGGCACTGAGGTGGTGCAGTTGAGACGAAAATTTGGACACTGGAATGATTTGGATAACAAGGAGAACACT
ACAGATATAGAGTTCTTTGAGTATGTAGAGGCAGTAAAGCTGACTGGTGACCTTAATCTTCCGGCTGGCCAGG

TCACTTTTCGGGCTAAAATTGGGAGAGGAAACCGCAATGCCAACCGTGGAATGTATCCAGATGAACTGGGAG
TGGTTGCAAGTTACAAAGGTCAAGGTAGAATAGCTGAATTTGGGTTCCGAAATCCCCAATGGGTTGATGGAG
AACTTCTCCAATTAATGGCAGGGGTATTGGGCCATATGTCAAAGGTGCAGATCTCGGGTTTCTCTATGTAGT
TCCTGAGCACAGTTTCTTGTACTCTTCAACCGTTTGAAGTTACCCGAATGATAGATGCTTGATTCTTGCCTCAC
ATTTTGGTTCAATCCTTTTTGAATCTGATGAGTGACATTGCCTGGCTTCACAACAGGAAGAAAGTTCTAATCTCT
GTAACGAAAGGTTCAAGCAACGAAGACTCTTCCAGCTACGTATTTCCATTACATTTCTCTTTCAGGCAAAAT
TTTGGTCTTTAATATAGTTCAAGATATCTTCTACTTCTTTTCCCCTGAGGTATATATCAAATTTTGATGATTCTGA
CATATAATAGTGTGTGATTCTGGAAGAGTATCTGTGAGCACCTGTTGTTTGCATGTGAAAATATTTAACATCT
ACTCAATAATATGTGAAACATAGGCCATGACCTTTTATAGTACCACCTAACCTGAATATTCAATGAAGCTTTGA
AACTATGGCTGATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1279 HQ449718|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc_SSR_9 sequence

AAGTAGGAGTGGAAGTAGATGAACTCTGCAAACAACACAGGAGTTGGTGTCTCCCTGCAATTATCACAAGA
CATAATTGATAGTGTGGGGAGAATATTTCTGAAGATGCACGCTTAATTGTCCGGTCTAGTGCCAATGTTGAG
GATTTGGCTGGCATGTCAGCTGCTGGACTTTATGATTCAATTCCAAATGTAAGTGTGAGAAATAAACTGTTTT
TAGCAATGCTGTTAGCAAAGTATGGGCGTCGTTGTACACTCGAAGAGCAGTTCTAAGTAGACGAGCTGCTGG
GGTACCTCAGAAAGATGCTCTAATGGCAGTGCTGGTGCAAGAAATGCTTTCTCCCGACTTATCATTTGTTCTAC
ACACATACAGCCCAACCAACCAAAACGACAAGTCTGTTGAGGCTGAGATTGCCTGTGGACTTGGTGAACTCT
GGCTTCTGGCACCCGTGGCACACCCTGGCGTCTTTTCTGCTGGAAGTTTGTAGGTGTAGTACAAACACTGGCA
TTTGCAAACCTCAGTGAAGAACTAAGAGTCCTTTCTACTGGCCCTGCTGATGGAGAAATGGCACGTTTTACTGT
AGATTACAGCAAAAAACCACTGTCCGTTGAACCAAGATTTCTGTGAACAGCTAGGTCAACGTCTTTGCGCTGTT
GGCTATTTCTTGAATGCAAGTTTGGCTGTCCACAGGACGTCGAAGGCTGCACCGTGGGTGATGACATTTATA
TAGTCCAAGCACGCCCCGAACCATTGTAGAACATAGGGTCTTTTCAATGAACGGCTGCTTGGATTTAGAAAGA
TGAGATGATGAAGTCTAATAAACCAACCCGTTGTTATTCTACCATCTCAAGTACACTAAGTCCTAAAATAAAACA
ACATTATCTGAAGTTCATTAGATATAAAGAGGAAGCTGTGTAATTTACTGCAGTTGTATTACAGTTTATTGGTA
AAGCCATAGAGTAATCTAATATGTTTTGTATCAAACCTAATTCATCATTGGCCAAGGCTACTTTCTTGGTAGATA
TTATANGGTGGTCGGATGCAGTGATGACATGTTTTTAATATTATTTCTTGTATTCAAGAATCGGTGTTTTTCC
CTA

>trans_s_1280 DQ869862|Camellia sinensis 26S proteasome regulatory particle non-ATPase
subunit 12 mRNA, complete cds

ACCATTTCCAATTTTCAGCAAACAGATTTCAGAGGAGGAAATTGAAGAAGAAGATCGCCATGGATCCGAAGCTA
ACTGAGGTCTCTCAGCACTTCGAGCGCTTCAAAGCTGCTCTTGTTAGACACGATTACGATTCTTGTAACAATCT
CCTCTCTCAGCTCAAGGTTTTTTTTGACTGGATTGAGAAGTCTTCCACCATTGTTTGAAGATACGCCCAATGCTGT
CCATGAATTGACGATAGCTAGGGATATATATGAGCATGCTGTGTTGCTTAGTGTGAAGGTTGAAGATCAAGAT
GCATTTGAAAGAGATTTCTTCCAATTGAAGCCTTACTATACTGATGCTCGTAACCGCCTTCTCCATCCCCTCAG
GAGTATCCCATCTTGGGTCTCAACCTTTTGAAGGCTTCTTGTCCAGAACAGAATTGCTGAATTCCATACGGAAC
TGAACCTTTTCCACCTCTGCTTTGGAGAACCCATGCATTAACATGCTGTGGAGCTGGAGCAATCCTTCATGG
AAGGGGCTTACAACCGTGTGTTGAGTGCTCGACAGACTGTGCCACATGAACTTATGGTTATTTTCATGGACCT
CCTTGCAAAGACTGTAAGAGATGAAATAGCCGTTGCAAGTGAAGGCATATGATTATCTTTCAATAAATGAT
GCACGCCAAATGCTGTTGTTTTCTCTGACCAGGAACCTTTGGACTACGTCAAGGAGGAGCATCCTGAGTGGG
AGATAACGAATGGCGTCGTATATTTCCAGAAGGCGAAAGAATCTGCACCATGCAAGGAAATACCATCTCTTCA
ACTTAACAACCAAACTCAGTTACGCAAGAGAGTTGGAGCGAATTGTATGAACCACCAAGCTAGCAGTTTCT

CATGATTCTCATCTGCTGATTTTACACATGCCAAGGTTTCTGGTTATTCCCCTCCCCATCTTATGATCATTATGA
CATTCTTCCATACAAAATTATTATTCTTGTGACATCGGGTCAGATTTTGTGAAGTTATCTTGGTGTTTTTCATTAT
CATGAGATGATTGTTGGTGCATCTGTCTTGTACGTGTTTGTTTACAATTACACATCTTCCGCATCTATTAA

>trans_s_1281 NM_112853|Arabidopsis thaliana radical SAM domain-containing protein
(AT3G19630) mRNA, complete cds

AACTTACAAAGCGGCGGAGCGATGGCGGTGTTTCGGTCTGCATTCGATGCCGGAGAGTTGAGAACCGAGTTC
GAGAAGGCCGCGCATCAAAACCACCTTCATCCCCTTCATTTGGAAGCATTTGCTTCACGATCAAAACAACCTATT
CAACCATAATCTGGCATCCGAATTCCAATGGGAGCAAGCTGTGCCTTCGCTGCCGTGCGCGGCCTATTGCTTG
CTCCGGTTGAAATTCAAGCCTCTTACTTCCACCGTCCACTCTGTCTGTTGATTCTCCGATCAGGTCACCACCAAA
CTCCTTATTAAGCTTCAGAGTGGAGCTTTTGTGGAGGCTGTCATAATGAGGTATGATACTCGTCTAGGAAAAT
ATGGCGGCAAACCTCGTCCAGGTGGTCTGCGGTCTACTCTTTGTATTTCTTCCCAGGTTGGTTGCAAAATGGG
ATGCAGATTCTGTGCAACTGGAACGATGGGGTTTAAAAGCAATCTGACTTCAGGGGAGATAGTAGAGCAGTT
GGTTCATGCCTCCCGTTTTTCCCAAATACGCAATATTGTTTTCATGGGAATGGGTGAACCATTGAATAACTATT
TTCTTTAGTGGAAGCTGTCCGTGCAATGATGGGCCCACCATTCTTACTATCACCCAAGAGAATTACTATCTCAA
CTGTTGGAATTATTCATGCTATAAAACAACTGCACAGTGATCTTCCAGGATTGAACCTGGCTGTTTCCTTGCAT
GCACCTGTGCAAGACATTCGTTGTCAGATAATGCCAGCAGCTCGAGCTTTTCCTTTACAAAAGCTTATGGATGC
TCTCCAAGAATATCAAAAAAAGAGTCAGCAAAAAGATATTAATTGAGTACATAATGCTTGATGGAGTGAATGAT
GAGGAGCAACATGCCCACCAACTCGGGAAATTGTTAGAGACATTCCAAGTGATAGTAACTTAATACCATTCA
ATCCTATTGGTAGTTCAAGCCAATTCAAAACCAGTGGCGATGAGAAAAGTTTCAGTCTTCCAGAAATTCTCCGC
GGTACGTATAACATACGCACAACAGTTCGTAAGCAGATGGGTCAAGATATTAGTGGTGCATGTGGTCAACTG
GTGG

>trans_s_1282 BT005249|Arabidopsis thaliana At4g16060 mRNA, complete cds

AGTTTCTGATTGTCGGGGGCAATGACTGAACGACTCGCTCTCCAATTTGCTCGTCCTTCTCCATCTCTAGGGCT
TTCCGCTTCCAATCGCATCCCAATTCCCTCTAAATTTCAGTTTCAGCTTCCATTTCTTTCTCTTTCGGTAATGCAC
ACTCTCCTCTTTGCTCCGGCTCCGGCCTACTCCGGCGAATATCTCCGATCAATGTGTCGTCGATTCTCTTGTA
GTGAAGCAGAACCAAAGGAACTGCGAGATGAGTCCGATTTTGAAGCAGTCTTCTTTGACAGCGATTATATTTTC
CGTTTGTGGATTTGGTTCTCTCCTTTCTGAGAGGAGTGCGCGAAGTACATTTCTTATCTGATCAACTTTAGAG
TGGCGAGATTGAATGGCTTTAGACGCATTTTCGGAAATGTAGTCTCTGTATTCTTTGAGCGCGGCATTGCTAA
ACCTGAAACCAAGGAGATTTCCAGCTTGTGTGCGGAGCCTTGCGAAGGAGAAAATATCATCATTACGGTTTTTC
GAGATTAAGAAGTTTGAGATTCCCGCGTTTATACAAAGAGAGATTGAGTTTCGATTTCTAGCAGTTTTTCCTGA
AACATTAGATGGAAAGGCATATCAAAAACCAGCGGTGCTTTGTTCTCGATCCACTGATGAAGAGTTTTTCCAA
GTGAGATGCAAAGGGAATAAGGACATCTTTTTTCATCATTATGGTCGGCATAATATCGATAAGATATGGAGAG
ATGATATCTTTCTTGTGCGGTTTATCTTCGTCACTGTATTTTAGCTGCAAAGAACCTGGGTGACGAAGCTTATA
ACAATTTCTGGATCATACTTTCTTGGAGATCGTAGTACAACCGTTCGTGAATATTTGACCGGTAATGGTTCA
GGCATTATGGAGGAGGAGCCTCCCGAATCCCTCAAGTTCGATATGGCGGTTGATATTATGGAAAACAAAT
AAGTGCAATGACTTATAGATCCTTGAAAGCCTTACGAGGTACGATTAACATATTATTTATTCGGAAAATTACCG
CTCTAGTTCTCAAGTTTGGGAGAATACGAACATTTACTAAGTTTTATATAGAAATAGTTGCAAATATAA

>trans_s_1283 FJ708709|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

GACTTGCAATTTGCATCATGATTGCTCACCGCGAATCATTCACCGAGACATAAAATCAAGTAACATTCTACTT
GATGCTAATTTGGAGGCTCGAGTTTCTGACTTTGGACTTGCGAAACTCTTAGAGGATGAAGAATCACATATCA

CGACTATTGTTGCAGGAACATTTGGTTATCTGGCTCCTGAGTATATGCAAAGTGGTAGAGCTACTGAAAAGAC
TGATGTATACAGTTTTGGGGTATTGATACTTGAAGTTTTGAGTGGCAAACGTCCCACAGATGCCTCATTTCATTG
AGAAGGGGCTAAACATTGTTGGTTGGTTAAACTTTCTAGTCACAGAGAATCGACAACGAGAAATAGTCGACTT
ACAGTGTGAGCGCATGCAAGCAGAGAGCTTGGATGCATTGCTTTAGTTGCCATCCGATGTGTTTCGTCAAGT
CCAGAGGAACGACCAACCATGCACAGAGTGGTCCAGATTCTGGAATCTGAGATTATGACTCCATGCCCAAGT
GATTTCTATGATACAGATTAAGATCTATAATGACACCCAAGCCAAGCCTTGCAATACCATGCCATGCCAATGAA
GGCATAGAACCTTGTTGGAATCAGCCAAAAGGATTATGACACCTTCAAGGTCCATGCTTTCTAATCTGATTGAT
TCTTCATTATTTCTTTCTGAGAAGTCGCAATTATGCAGCTTTTGTGATTGAGCTCTAACGTTTGAGAAAAGGGT
CCCAAAAAGTGCTGTTTCTTAACCAAACCGCATTGGATCTCTTGAATTCCATTGCCCCATGTAAGTAAATGA
AGGTTCCACGTCTCTGAGTTTTATATTTGTTCAATCTCCCCTAGGGTTTTCTTTCTTCTCTCTCTCGTCTCAA
ATCATTCTCTTTGTAATTTTTCTGTAACTTTTGACCCTATATGAATTGTACATGAGTGATTGTATAAATATTCGA
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACCCCCAAGGCCCCCAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_1284 AF183903|Petunia x hybrida actin-depolymerizing factor 1 (ADF1) mRNA, complete
cds

AAGCCGACTTCAACAAAAAGAAGGAACTTCATCATCGTTTTCAACAGTGATTTTCACCAGCACGACACGCTCTT
CTTCTCTGCTATTTGAATCACTGGCACCGTAATTAACACTCTCAACCACCCAATATAACCTTCTTCTCTCCATT
CGTTCATTTCTCATTGCCGGACTAACACTTCCGATTTCTCTGTTTTTGTAGTTCTTCCGCTACCATCCAAGAAGA
AAACATGGCCAATGCAGCATCAGGAATGGCTGTGAACGATGAATGTAAGTTAAAGTTTTTGGAGCTCAAGTC
GAAAAGAACCCATCGTTTCATTGTCTTTAAGATCGAGGAGAAGCTGAAGCAAGTTGTTGTGGAGAACTCGG
TGGGCTAGCCAGAGTTATGAAGATTTTGCTGCTAGTCTCCCTGCCAACGAGTGTCGTTATGCTGTCTATGATT
TCGACTTTGTGACTGAAGAAAATTGCCAAAAAGCAGAATCTTCTTCATTGCCTGGTGTCTGATGATTCAAAG
GTCAGAAGCAAGATGATATATGCAAGCTCCAAGGACAGATTCAAGAGAGAGCTCGATGGAATACAAGTAGA
GCTGCAAGCAACTGATCCAAGTGAAGTGGGTCTTGATGTCAATCGAAGCCGTGCCAACTGAACACGAAACACA
AGACTTTGAAAATAAATTGAAACAGTTAAAGTTTTGTGAGATGGAGGCTTAGATTTCACTGAAAATCTTCTGTT
CTACTTGAACAAGTATGCAGCTGTGTGTCATCTACTTTCTCATGGTATTTCTTTAACTTGTTATGCAACTCTTTT
GTCTTGAGTGACCATCTGGAATCTGATTATTAGCTATAAAAGCTAATATTATGTAGCTTGAGGGGTTAGTTGAA
ACCTTATGCTAATTTCTATTTGTTCTCTTTCTTTTTTTCAGCTTTACTTTGAATTTATGGCTTTTGAAGTGATG
ATGTATTTAATAACATACATTCTTTCTTTAACCCAAACATTATCCTCTCTACTTTTGGGTTATTGTTACTTGGT
TTGGCAGTAAGTAAACTTGATTGCTTGATTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1285 AL161536|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 36

ACCTCCACATTGCTTCCCATATGCCTCTCTCTTCATTGGCAGTTTCCTATAATCCTCAAAAGTCCCCTCTGCGCCT
CTGATTTTTTATACTCTGTAGTTGAATTTGAAGATTCCAGGCAGTTTGGTCAGATTTCGATTCGTGGGGTTCTTC
GGTTTTCTTAAATTTTCATTTGTGGGTTGAGGAACTTAAGTGTGGCCGCCATGGAAGGAGCAGTGGGAGCTG
AGTTTCAGGATTGGGAGGTGCTGCTCCATGATTTGAACCTCGAAACTGCGTTAACTGCGGCTGAGTTTTCCGG
AGAGAAATCGACCCATTCTGGGGGAATTGAAGGTGAGTCCGATTCTGATAGCATAATTAAATCCGACTATTTCT
TCTCTTGATAATCAGGGACGGCGAGGGAGAAGTGTACCTGAGCGTGATCTTAATGAAGAGGAGGGCTCGGTT
GAATCGGATAATCCTAGTTGGATTGATCCGAGTTTCGAGAAATCGATATGGTCGTGTAAATTCGAGCGAATTAT
GGTCTGATTCTGGCAGTGATAGGTCCGATGAGCGTAAATTTAACGAGCTTGATTGAAAACTGAGTCCGGAA
TCGCAGGATTTTTTCAAGGTGATGAGGAATTGAGTGGTAGGATTCTGAAATTAGAGAGTTTAAAGTCCCATGA
GAACAAAATCACTGGCTCTGATCCCAATATTGAAGTAGCTTTAGAAGAATTTGACGAAGTTCAATCCCAAAGC

AAGGATTTGAACAAATTCTGGTCTGAGTCTGGTGAGGATATTGTTCAAAATGGCTCAAAGTAGTGAAGTTGG
AAGAAGGGAAAGAGCATTTGGATGAAAACAAGAATCTCCAAATTGAAGAAACCAAAATCAATGCAGAATCCG
GCAGTGAGGTTGGAGATAAGAGGAAGGTAGTTTGGTGGAAGGTTCCATTTGAGGTGCTGAAGTACTGCTTGT
TTAAGGCAAGTCCTGTCTGGTCATTCTCTGTAGCAGCTGCTTTGATGGGTTTTATTATTCTTGAAGGAAGCTC
TACAAAATCAAGAGGAAGAGCCAGAGCTTGACCTGAAGGTTATCTTGGATGAGAAGGGATCTCCAATCCTG
AGTCGAGC

>trans_s_1286 AY063232|Vigna unguiculata adenylosuccinate-AMP lyase (pur8) mRNA, complete
cds

ATTCCAATTCCTTGCCGCACCCATGGACAGCCAGCATCACCTTCAACCCTGGGAAAGGAAATGGCAATTTTTGC
AGTTAGACTAGGTAGAGAAAGGTCGGAAGTTTCCAAGGTCAAGATAATGGGAAAGTTTGCTGGTGCAGTTGG
AAACTATAATGCACATCTTGTTGCATATCCAAATGTTAACTGGCCTAAAGTGGCTGAAGAGTTTGTGAACCTTT
TGGGATTGAGCTTCAATCCCTACGTAACCTCAGATTGAAACTCATGACTACATGGCTAAACTCTTTTTTACCATTG
TGAGATACAATAATATCTTGATTGATTTTGACAGAGATATTTGGGGTTATATATCTTTGGGCTATTTTAAACAG
ATAACAAAGGTAGGTGAGATTGGTCTTCAACAATGCCTCACAAAGTAAATCCCATTGATTTTGAAGTAGTG
AAGGTAATCTTGGTGTAGCTAATGGAGCATTGGCCCAATTAAGCGAGAAGTTACCCATATCTCGGTGGCAGC
GTGACTTGACTGATTCTACTGTTTTAAGAAATATGGGAGTTGGACTTGGACACTCTCTTCTTGCCTACAAAAGT
ACACTTCAGGGTATATCAAAGCTTCAGGTCAATGAAAGCCGTATCAATGAAGATTGGACCAATCCTGGGAGG
TCCTTGCCGAACCAATACAGACAGTCATGCGACGATACGGTGTTCAGAGCCTTATGAGAAGCTAAAGGAACT
AACCAGAGGAAAAACAGTTACCAAGGAAAGTATAAGGAGATTATTGAAGGGTTGGAATTACCTAAAGAAGC
CAAGACAAATCTGTTGGAATAACACCTCATAGCTATGTTGGAGCAGCGGTTGAATTGGCTAGGGATGTAGA
CATGGCCTTGAATCTTGTGAACAGAGGTGAGCTCTTTTAAATTCCGGGGCATTGATTGACAAGGTCACATTTT
TGCAAGTGATGTACAACATTTGATGAGCGTACAACCTTGGTTCTACCTTCGATTCTTCTTCTGACCT
TCTTACAAAATTTGTGTAACCTTAATAAATGCATGAAGTTCGTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_1287 U93586|Cucumis sativus pathogen-induced protein CuPi1 mRNA, complete cds

AAAATTTTTTGGGGGGGAGGGGCCGGAACACAAAATTGGGAACCCAAAAGGGGGCCCCGATTTTAACTT
TACGGGGAAAACCCGGGAAAAGGGGAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAGAGGGGGGGCTAGGGGGC
CGGCAAAAGTAAGGGGCCCTGGGGGTAAACCCCCCCCCCCCCGGGTAAAGGGGCGGTAAAGGGGGG
TTCCCTTTCCCTTAGGGGGGGGAAATTTTGGGAAGGGGAATGGGGGGGGGCTTTTTTTTTTTCCCCC
GGGGGAAAAGGGGGATTGTTCAAAGGGGATAAATTGGGGAAACCCCGGGTTTTCCAGCCCGGGGTTT
AAAAAGGGGGCCCAGGGGGGGGGGAAATAGGCTCCCTTAGGGGGAAATGGGGGCCGGGGCCCCCCCCG
GGGTGGGGGTTTGAATAATTTTGGGGGGGGGGGGGCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTA
AATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAAGT
CCAAATTGATTCTGAATACATAGAGATCATACAATAGAAAACACACTGAACTCCAAAGTGAAATATCATATATA
TAACTACTATATATGAATTATACACACACACTTTTTATTTCAAAGGATAAATTAATACACAAACAATTTAAA
ACAAGATTTCAATCCATGTGATTTTGAATGATTTATTGATCATTTGCAGAGAAATAGGTGATAGTACTCGGTC
TACGGCGGGCTGCATCTTAACATAGGGACTGCACCTTTCACTTGGTGGCTTATTTCTAGGGATGCAATCGG
TATAACGACCGCTACGACCGCAGACCGGTTTGTTCGGATTCTGTTCTCGGGCTGATGCTAATTGATATCTGT
TCATTCTTTTGGACCATCTTCAGCTTCCTTGCTGCAGTCACCTCGGAGGAGATGAAGAGAATGAAGAAGAAGA
AAAAAGCAAGGAATGAATAACGACGTCCCTTCCACTACTCATTCTGATTTCTTCCAATTGAAGTTGTTTTGG
AGATT

>trans_s_1288 BT020367|Arabidopsis thaliana At1g15340 gene, complete cds

TTTGTAGAGGGAGAAACAGCAAAAAGAAATGGAGAGCAAAGAAGAAGTTATGATGGTGGAAATTGAAGAAGCT
CAAGCTGATACTGGAGCAGCCATGGATGAAGTCATTTCCGTGGAGCTTCCTGCACCACCTACTTGGAAGAAAC
TGTTTCATACCCAGGAGGTCAGGTACACCAAGAAAGACTGAGATTGTATTCATTGCTCCAAGTGGTGAAGAAAT
TGGTAATCGAAAACCTGCTGGAGCAGTACTTAAAATCGCATCCTGGTGGTCTGCAATATCGGAGTTTGATTGG
AGCACAGGGGAGACACCTAGAAGATCAGCAAGAATCAGTGAGAAGGTCAAGGCAACTCCACCTAAAGAGGA
GCCTCCAAAGAAACGGGGCCGGAATCTTCTGGTTCTAAGAGAGAGAGTAAGGAGGAAGTCAATGCAGGTG
TCACAGGTCTGAAGAAGTTGAAATGAAAGATGCAGAGGCGAATGAGAAAAACATTCCTGTTGTAGAGGATA
AAGACGGTTCTGATAATTATCAAGCTGAAGATGGAGATAATCCCAGAGGTGAACCCAAGGAAATAGAAAAAG
TGGATGCTGATCCAGACATAAGCGGTAAAGATAAGACGGGTAAATGATGCTGGTGAAGTAAAAATGGTCATA
CAGAAGCCCCGGAAGCCACAGAGAACGTTCCCCAGGTGAAGGAAGGTGAAAAGCAAGACCATGAGAGAGGT
TCAGATGTAGTTGTAACTCGGAATTTGTCAAGTATGGGTGAAACAAAATAAGCACGGTAGTGAAACCAACGGTC
AAGATGCGATTCAAGAGAAAACTGAGGGTTTGAAGAAGCTGAAAAGCAAGGAAATGAAATAGCGGAAGA
ACATATTACTGCTATTGCTAGTGAGGTTAACCAATCCGAAAAGGAAATGGTGCAAACTGAGACCAAGCAAGA
AAATGACTCCCAAAGCAACAAAGAAAAACAAAATGACCATGACAATGTTGGCATTGAACAAGTGAACGGAGT
CGTGGAGGGGAAAGAAACAGAATGATGAGAATGAAGCCACGGCTGTACCAGATAATGAGGTTAAGGGCAATC
AAGGTGTTTCAACAAATGCTGCAAAAT

>trans_s_1289 NM_001053563 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0533000 (Os02g0533000)
mRNA, partial cds

ACGTAATTCAGAGAGAGCAATGGCCATTGGATTGGGTGGGCTTAATCTTTTTGGTGTAAATAGTCCTCGGAGCC
ATGTTGAAGGATGTTGCTGTTAAGCCAAGTGGCCTTATTAATTTGTCTCAGATATATTTCTCTACTGCAGAT
ATATGCTGGTTCTTTCTTCACAATTCCATTGGTACGGTGGTTCATTATCCAGAAGAGGAATGCTGAAATAGGAA
AACGAAACGAAGCAAGGCAAAAGCGTGCTCAAGCCCTTGAAGTCCCGGACATGACCCTCAGACGGAAGCTCC
TCAGTGCTCGAGACATGGCCCCAAAAAACTGTAATCAGTCCAGATCGAATTGTATATAGTACTGATCGAGATTT
AATTGAGCAAAATTATGAGCTCCAAGAATGGGAAAGGAAGTTTCGAGAGATAGAAAAGTCAGATTAGAGAAT
TGGAAAGTTCTGTGATTTCAAGGTCTTGACAGTGTCTCCACGGATACGTAGTTGTTGTTGGGTTGGGATTTC
CCAAGCTGTTGATTAGCCCGGATATGGGGCTGGTTTCCAATTTATTTGGTGAAATGGATTCTCTGTTTGAGAAA
GTGGTGAAGATTGTGATTCTGCTTCATAACAGAGCTTTTTTTGTTATATAGGATTAGACTGCTTGATTGTTAAT
TACTGTATAAAAAATTTGATGGGGGCAGGTTGGGGGAAGTGGGGATTGATTCTCTTTCCATTTTAGCACTGT
AAAATTAATAAATAACCAATTTGAAAATATAACACAGAACCAATTCGCATCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTTAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGGGCCGG
GACCCCATTTCCCCAAAAGGGGGTCTAATAACCCGCCCCCCGGGGCCCCCTTTTTAAACCGCGGGGGGGGG
AAAACCCGGGGGTTTCCCCATTTATCCCTTGGAACACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAACAAAA
AGCCCCCCC

>trans_s_1290 NM_101788 | *Arabidopsis thaliana* zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT1G19310) mRNA, complete cds

ATTTTTCAAACGTATATTTTTCGGTTTTCCGTCAAACGCGTTCATCTCCGTTTCAGATTTCCCTTTTTGATCCTT
ATCGGAACGCAGGATCGGTTGGTTTCTTCTTTAATCACTAGGTGGGTTGTGTAGAAATGGCAAGCGGGCT
TGGGGAATCGACGAGTAGGCAACCTCAAAGTCCTTCTGTTCCGATAACAATGGTGATGCTAGTAATTTTGAG
TGCAATATTTGCCTGGATTTAGCTCAAGATCCTATTGTAACCCTATGTGGTCATCTTTCTGTTGGCCATGTCTT
TATAAGTGGCTGCATATTCATTCTCATCCCCAGGAATGTCCAGTTTGCAAGGCTATCATTGAAGAGCAAAAATT
GGTTCCTTTATATGGCAGGGGGAAGACATCGACTGACCCGAGATCGAAAGGTATTCCTGGAATTAATATTCCT

>trans_s_1291 GQ475492|Phaseolus vulgaris RabA2 mRNA, complete cds

>trans_s_1292_AL161573|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 69

TTCATCAGGTAGTGATATCGAGCTTCAAACTTGAACAGAAGCATTCCGTTCTCTATTCAAACCTACAAGTTTGC
AGAATGGTATTTCTCTCCAATAGTCAAAGATTCTCATGATGCTGGTGCATCCAGTTCAACTGGCCATTCCCTA
CACAGCATAAGGCAAGCATTCTCTACTGGAAATGGTGAGCAATGTGGGTTCCAGCCTATGAATCCTGGAACT
TGCCTTTGATGTTTGGCAATTCTTCTAGCCAGCTTCCAACTTAGATAAAGATAGTTCCCGGGGTTTGATTTCCC
AACCACAGTTGCATAATCCCTGTAGCAGAAGTCAACCGTCTTCAGGAATTCTTCTAGTTCAGTTGAGGTTACT
CAATATGATCCCAGGACGTCAGAACAAAGAGAAAGTTGATAATAATAGCAGACAGCCTACTGTTGAAGAAGGG
TCCTCTTCTCAAGCAGGGGGCAAAGGAAGCAGCAGTAGCCTTGGGGTGAAAGATTATCAGAACAGCCGGGG
AGAGGTTTGTTCAATGAAATTTCTGCTATAAAGCCAGGTCTCGATGCTGATGTCAAGTTTGGGGGATCTGGTT
CTTCCCTAATCTACCTTGGGTATCTACCACGGGTACCGGTCCAAATGGTCAACTATTTCTGGTGTGACTTAC
AGATACAATACAGACCAGATCAAGATTGTCTGTGCTTGTGCATGGTACCCACATGTCTCCAGAGGACTTTGTTCCG
ACATGCTAGTGAAGAGCTCGTCAGTTTCGGAAAATGATGCTTGTGTTGGCTCCATTTTCAAGTAACAATCCTTCAA
CCTCTACACAAAGTTGACTCATAGCATCTATGTTTGCATAGTTAGGAATTCTGTTGTGGATTGAAATCAACTTCT
ACACAAAGTTTGACTCATAACCTCTATGTTTTTGTGTTGAATAGTTGGGAATTCTTGTGGATTGGATTAAACA
ACATTCTCGTATTATCCCCTTCCAAAAGATCACTTTTCTCATCATTTTATTTGTTCAAACTGGAGAAGTTCTG
TTTTAACAGAACCAACTGAGTTTTGTACAAGGTTTGAGAATGACAGTATAACATCCAATGAAGTTCAC

>trans_s_1293 EU747715|*Lamium galeobdolon* indole-3-glycerol phosphate lyase IGL1 mRNA, partial cds

CCGACAGTCCTTTTAAAAGAACTAAAAGAAATCTCAAGTAAACTAAAAGATGGGTGTTAGGCACTAGCAGG
CTTCAGTAACAGAGCCTAGTTGATCTTTTGTTTACAAATGAAAGGAACAGCCTAAGTTATCCCTTCAAAATTTA
TCAGGAGAGTGCAGATTTTAAGGATTTGGTGAAGTTTCGAGTGCCTTCAATCCTTCTTCAGGAGACTGGGCT
TCTCCCAACAGCTTAACCATTGCACTACCAACTATGATACCATCAGCCCCCAGCTAGACACCTGTTTCACGTGC
TCGGGTTTCGATATACCAATCCTACTGCTACTGGTTTTCTGTTACCTCTTTAATTTCTCAAGGAGAGTTTGA
ACTTTATTGCTCACTGAAGCACGAGCGCCAGTAACCTCAACAGAGCTCACAAGATATACAAATCCCTCTGAAG
CTTCAACGATGGCTTTCATCCTATCTCTGGTGTGGTTGGTGTAGTTAAGAGCACCAGCTCAATATTGCGCTTT
ACAGCTTCCTTTCTCAAAATTTCAGTCTCCTCAAGAGGAACATCCGGAACAACAAGACCTTGTACACCAGCATC
TTTGATTGTCAACATGAAGTTTCCAATGCCACGCTTAAGAATTGGGTATAGTATGAAAAAAGGGCAATTGGG
CAAGACAGTTCAGGAATAACCTCCTCAGCATAGAAATGATTGCACTAAAGTTTGTACCCCTAGCCAAGGGCC
GAGTCGCTGCAGCCTGTATAACGGGACCATCTGCCAAGGGATCCGAATAAGGAACACATAGTTTCGATTATATC
TGATCCAGAAGTGGAAAGCACCTTCAGTGCTTCAGCCGTGGTGGAAAGATCAGGATCACCAGCAGTGATGTA
GGGAATAAATGCAACCTGCCTTGTTCCTCAATTTGCTGAATGTTTCAGACAGTCCTACAGCAGAGGAAGCT
GTAAGGGAAGCCATTGGAACAACCCGCTTGATTGAAAGACTGAAATCTTACAAGGATGAGGGGGAAAGAT
AAGGGTAGTGGGTATCTTGTTGAATTGAAATAACCTCGAAGAATTCAAACAGTGTCCATTTGGGAGGTAAAT
ACGG

>trans_s_1294 NM_113232|*Arabidopsis thaliana* dehydration-responsive protein-related (AT3G23300) mRNA, complete cds

TAACAAATCATTGTTATCTGCAAAGAGAACCTGGTACCCGCCCTCCACTTTGCCGATCTGATGATGATCCCGAT
GCTGTTTGGGGTGTGCAGATGGAAGCTTGTATCACTCCTTACTCTGACCATGACCATAAAGCCAAAGGCAGTG
GATTAGCTCCTTGGCCAGCTCGATTAACCTCACCTCCTCCACGACTTCAAGATTTTGGCTATTCAAATGAAATGT
TTGAAAAAGACACGGAAATTTGGCGGCGTAGAGTTGAAAGTTACTGGAATCTTCTGAGTCCAAAGATTGAAG
CGGATACTATTAGGAACGTGATGGACATGAAGGCTAATATGGGATCATTCCGAGCTGCTCTGAAGGACATGA
TGTGTGGGTGATGAATGTTGTTCCAGAAGATGGACCTAACACACTGAAATTGATATATGATCGGGGCGCTCATA
GGCACTACTAATAACTGGTGCGAAGCCTTCTCAACATATCCTCGTACATACGATCTGCTTCACGCATGGACTGT
CTTTTCCGACATCGAGAAGAAAGAATGCAGCTCTGAGGACCTGTTGCTCGAGATGGATCGCATGCTCAGACCC
ACAGGTTTCATCATTATCAGGGACAAACAATCTGTCGTAGATTTGATAAAGAAGTATCTACCTGCATTGCACTG
GGAAGCAGTAGCTACCGTGGATGCCAGCTCGGATTGAGAATTGGATGGCGATGAAGCCATATTCATTGTTCA
AAAGAACTGTGGCTGACAAGTGAGAGTGTGAGGGATTGAGAATAAGACCAAAAAGAGCTGTCTTCTTCACA
AGTCCCTGTTGCTGTAAATTTTCCGATGCCATCGCCGCTAGAGGGATCAGATCAGCAAGAACGAGCAGCA
GCGATGCCAGTAAAAAAGGTTCTTCTGGTCATTAGGGAGATATTTCAAATTTCTATTTATTTACCTCAGGG
GAATGCTTTTGATTTGATAGTATCTATAGACGATGGATATTCTTCAACAATTTTTTCCCTCTTTTGTGCTCTG
TCTTTTACTTAAAAGTTATTTGATTATTGATTCAAGAATGGAAGATTTGGGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_1295 NM_001052885|*Oryza sativa* Japonica Group Os02g0227100 (Os02g0227100) mRNA, complete cds

TGGAGCTTTTGTGCTTTCAGTCACCGGTTGACATTTATTTCTTTTGGGCCATACCCTTTCTATTGGTTGTTTGA
GACTCCATGCCTCTACATGTGAGACCTACAATTTCCCTGTAATTTCCCTCTTTGAAAAATAAGCAACCACTCTTG
GAATTTTATCTTCTTTTATAATTGGATGCCTATAAAAAAATGTTCCACAAGAAATGTCCGACACTCAAGGTTAT
TTATATTCAATTCAAAGGGGTTATCTTACATAAATACATTAAGGCTCAGGCCATCAAAGCACCAAATCTTGT

CAAATTCTTCTTTTTGGTTCCTGTTCTCTTCATCTTCTTCATTATGGGTGAGTTACAGAGATTTATGCTTCATCAA
CCATGTTTCAGCTACACTACACCAAGACTTCCATGAAGATTTAGAAGATCATTGGAGGATCACCAAGGGAGGTG
ACCAGTACAACGTTGCATCTTCAACATCTTCATTTGAAGATTCAACGATTTTCGAGTGAATCGCTATCTTCATCAG
ACTTGGCAGACGATGCGTGTTTCATCCACTTCAAATTCTTCATCTCAATCTAATGGCCCATTGGAGGATTTTACA
GATCTTTTTGCTCAACTCCCAATCAAGAGAGGACTATCAATGTTCTACCAGGGAAAGTCTCGGTCTTTTACATC
TCTGTCAAGTGTAAGAGCATAGAAGACATTCCAAAGAAGCCAAATCCATACAGCAGGAGATTGAATACATG
TAAGAGCTATGCAGGTGGCTTGGACACCCACAAGTCTTCCTATACCCTTCCAAAGGCTCCAACTTTTAAGAAG
GCATCAAAGAGCTCTCTGTCTTTGTCCACGTAAGGAGAGGCAGTAATTTGGCTGGTTGTAGACCTCCTCCCAT
TCCTATATATGATGAGAGCTTTTGATCTTTGAGCACCGCCACCATTAAATTGGCCATTATTTCCACTTAACTTTT
GCTTGTACAATAGAAATGCAAATGAAAATCATGTTAGCCAATTTTTACTCTCTCAGCATTGATGAGAGTTTCTA
ATAGAACTACTACATTTCAATTCAATTAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans_s_1296 NM_119474|Arabidopsis thaliana XI-I; motor/ protein binding (XI-I) mRNA, complete cds

CGTTCATCAATATTTCACTTTTTAATAGCCTTCTTCTACGACGTGAATGTTGCACATTTTCAAATGGGGAGTACG
TAAAATCTGGTCTTGCAGAACTAGAGAAGTGGATTGGCAACGCAACAGATGAGTATTCAGGGACCTCTTGGC
ATGAGCTAAACTATATAAGGCAAGCTGTCGGGTTTCTGGTAATACATCAGAAGCGAAAGAGATCGCTAGAAG
AGATAAGACAGGATCTTTGCCCCGACATTGACAGTGAGACAAATTTATCGCATTAGTACTATGTATTGGGATGA
TAAATACGGGACTCAGAGTGTGTCAAACGAGGTGGTTGCTCAAATGAGGGAAATTCTAAACAAGGACAATCA
GAACTTAACCTCAAATTCATTTTTATTGGATGATGATCTAAGCATCCCATTCTCTACTGAAGACATCGACATGGC
TCTTCCGGCCATTGAACCTTCAGACATCGAACTTCCCACTTCTCTGTCCGAATTTCCCTGTGTGCAGTTTCTGGT
CGAGCAGCAAAAGTAGTTAGTTAGCTTACAACAACACGTTAACATACGATGAGATCAACTAATCAATTTAATA
CTTCCAAGTAGATCTTTTTCAATTGGATATGATCTTTCATTATATCATCAAAGCCTCTTTGCATATGCTTGAAGA
CGTCCAAATCCATGCATGCTTCAAATTTGGGCTCAAGATTTGTCAATTGAAAAGCAAAGTAACTGATTTTCGA
CTTCTCTCGAACTTTGTGCAGATGAAGACTAGTCTCGTTTCTCCATTCAATTCAATTAACGTGGCTGGTAGTATAT
AGTACTTCCAAGAAATAGGAAAAAGAAAGCTGTGCTAGGAAGGTTCCATCCATGTGAAGCTAACTCATTTT
TTTTAATTTGTAATTGATTTCACTTGAATCCATTCAATTTGTATTATGATGCTGAGAATAGCAGTAGCAGTGTA
TGTAATATGTAAATCTAGGACACTCCCAAAGCTTTAGAATGGGACATTGTTAGGATCTAATGTTAGCTTGA
ACATTTGCTGGATGTTTCAGTCAACAATACATTTTGTAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans_s_1297 DQ912946|Gossypium barbadense PDF mRNA, complete cds

ATCCATCACCATTAAACATTCCTTCCCTTCTTTCCCATCTCTAATCCCTTTGCTCCCAATCAGAAAAACAGCCAACC
AAAGAAACAACCATGAGAAGCAAACAAGCTTCTGCTCTCCTTTTCACTTTGCTTGGTGGCTGCTTTCTCAAAG
CCTACTCATCCCTGTATTGTCCACCTCCATTACTGATCAGAAAAGCTACTACTCTCCTCCAGACCCACATTCTGG
ATCTCCTCCATCAGGTTACATGGCAGTCTATCCCACCATCACATGGTAATGGAGGAACGCCACATTACTCCA
CACCAACACCTTCCACACCGTCTGGTGGCGGTGGATACTACAACCCTCCGTCTTCTGGTGGTAGCCACCAAGC
ACCCCTGTAGATCCAGGCACTCCTAGCACTCCAAGCACTCCTAGTGTTCCTAGCACACCAAGCACGCCTACCAT
TCCCACTACTCCATTTACCTGCAATTATTGGCTGAATCATCCAGGATTGATATGGGGAGTATTGGGATGGTGG
GGAACATTAGGAAATGCCTTCGGAGCAACCAATGTCCCAGGGTTTGAACAAATCTCAACTTGCTCCAAGCAC
TTTCTAACACAAGGAATGATGGGTATGGGGCCCTTCTCAGAGAAGGAACTGCTTCGTACCTCAACTCTCTTGCT
AGTAACAGATTTCCCTACACAACCAAGCAAGTTAGGACAAGTTTCGTCTCAGCACTCAGCTCCAACAAAGCAG
CAGGCGATCAGGCCAACACGTTCAAGTTAGCCAACGAGGGCAAAATTAACCCAGAGCTTGATTTCCCACTT
TTTCTACCATTTACCATCTAAATAACTAATGAGTGTGCCTTAGCAGTTAGTAGTGAGACAGTGAGACCAATTT
ACCATGTCATGTGTTGTTTTGTTTTATTTGTTCTTGTCTTAGTTTCTTGCAATCTCTTTTGTTCATGTATTGAA

>trans_s_1298 XM_002870040|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATTPS5, mRNA

>trans_s_1299 Z29592|V.faba mRNA for guanine nucleotide regulatory protein (807bp)

>trans_s_1300 HM122709|Malus x domestica WHY domain class transcription factor (WHY1)
mRNA, complete cds

CATGAGCACAAGCAGGATGATGAAGCTTACGCGCTTGTTTTACGGAACCAGCTATTTGAACAAATTGTATGT
AAGAAAGATGGTTATGTTGGACATCCTTTGGGATCACACCCTTTCTCAACTCGTGCTGGGATTCCAGATATTAC
ACAGAATTTTACTCATACAGTGACAAAGAATGCAGGTGGTCGAGCTTTTGTTTCCTATCATGTGTATAAGGGC
AAAGCTGCAGTCTCCATTGAACCTTGATGCCAACTTTCACTAAAGTAGAGTCTGGGAATCTTATAATAGATCG

ACGTGGTTCAATAATGCTGACATTCGCTCCTGCCATGGGCGAGCGCAAGTATGATTGGACAAGGAAACAGTT
GTTTGCGTTGTCCGCAACAGAGGTTGGTTCTTTAATCAGTATGGGTCCCAAGGATTCATGCGAATTCTTCCATG
ACCCTGGAATGCTTTCAAGTACTGCTGGTCAAGTAAGGAAGAACTTAGCTATTAAGGCTCATACAGATGGCAA
CGGCTATATGATCTCTTTGAATGTTGTTAATAAACCACAAAACACCAACGATTTCTTGAGCCTTCCCTTCACAA
AGGCGAATTTTCTGTGCTGAAGACTGCTTGCAAGTTTCTGCTGCTAGCCTTCTTGGTTGGGACCGCGTGTTCA
ATCCTAATATTGGCATGGGTAACGGTTTTCAATCAAAAAGAATTGATCGTGAAGCATTGAGTTTAGAGTGGGA
AAGATGAATGTCCGTAGAAATGTCACTTCCATGAAGCTGAAGCTGCTAAAGTTCAAATTTGGGCTAATCTTGT
CACCTCTTCAACTTCTGTAGTGCATGGATGTATCCTTCGAATTTTGCTTTACAGAACTCTAGTTGGTGGCAG
CGTACTAAATAATTTTTGTATCTGAAAGGCAATGGATTATTTGGATGGGACTTCATTTCTGAAAAACAAGTA
ACAATGTACACAAGCACTTTTGTTAACTGTTGTTGAGTTAGAGATATGCTCCTAGTCTATTATTTGCATGATAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1301 NM_001051752|Oryza sativa Japonica Group Os01g0920100 (Os01g0920100)
mRNA, complete cds

CCCTCAACAAAACATCCTCCTCTTTCTCCTCCTCTTCTTCTACCCTCTTCTCTCTAAAACCTCATTTTCGTTTCTCC
ATTTTCATTCCCCGATGATCGCACTACCATCAACTTAAGGTGAGATCAAACCCCAAACCACTCCATCAATGGG
TTCCTGTGCTTCAATCCACAGAAATCCTGATTCCGCCATGAAATTCAAACTCTCACTTGCTTCCAAACCAACGA
TATGGCAATTCCTCCTTCACCCATCAAACAAAACAACACTCCCATCAACCCACCGTCTTTCACAAATCTCAGAC
CTCCCTTCTCACTTGCGTAGCAAGGATGAAGCGTTTTTTGATTACAGAGGCTGGTTGGATTGAGATTGTGAA
GATGATTTCTACAGTGTTAATGGCGATTTCACTCCTTCACGAGGAAATACTCCGACACACTCCAGCTTCTCCTCC
GGTACCCCTCGGATCAACCAAGTTCATGGCATTGACGATCAGACTCCAATCACCATTCCCGAACCATCGCCAAC
AGGAAAGAAGAACTGGCTGATCTTTTCAGGGAGAGCTCTAGAAATGGCACTGACAGACAAGCCAAACCAAC
TCTAAATGAACTCGCCCTGCAGTCGAATCCTGAAACACCTTACGTGTCAGGAACAACTCTGTATGTAGCAGT
GAGAGGACCCCAAATGGAGATGTCTGGGCTGAGAAGGAAAGGCCATTTGGATCAGTACAATGCTGCCTCCCA
AGTTTGAGATCATGTCATAGCTTTGGTGACCGGAGGAAGAAGGCGAGTCTGCCATAGCTGTGTAGTACAAG
CTCTGATCCAACATGCCATAAGCTGTGAAATCCCCCTCTGGTTCTGCCATTGTGAGACCTTGCTCATGGAGTT
CACAATTGTTGAGAAATATGTAAAGTTCAGAAATATTCGATGCAGATGCAGCAGCAGTGTTCAAGAGCTATTG
CTGTTGTTGAAGGCAATGCTTATATATATATAAATATATAGATACAGATATGTTAGATTCTAGTACAGTGTTT
CATATCATATGAGAATATGTGAGAAAACAAAGAGGAGAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1302 AF180143|Glycine max ubiquitin carrier protein 4 (UBC4) mRNA, complete cds

AACCGCTTTTGCGGGTAAGAAAAAGCCTTCATTCCCTCTTCTATCGCTTCATTCTTCCCTTCCCTTCTTCTCTTCT
TTCCACTTCTCTTACCCTCTTCCCCTCTTCTCAATCCAATTCCATAACCATGTCTTCTCCAAGCAAGCGACGTGA
AATGGATTGATGAACTGATGATGAGTGATTACAAGGTGGAACAATCAATGATAGCATGCAAGAGTTTTAT
GTGGACTTCCATGGACCTAAAGACAGTGAATCATCTATACCCATCTTTGATTTTTCCCCTTTTTTGTGATTGTTT
TTCTTGTAATTTAGGATTAAGTCTCATATCTTACTTGGGTTTTGTTGTTGATTTTGTGATTCTGTCTCTTTAG
GATTTTCCCCCTTTTTGTTGATTGATTGATTGAGACATGTTTGATACTTTGCCTTTGTTGAAATCAACCAAACC
TGCAGTTTGGGTCTTGATTTTCTAAGCTTGTTGTGTGGTTGACTAGTTTCAAATTGTAGTTTTGTTCTTCTTAAC
CTTGAGTTTGTGATGGTTGCTGACTTTCCATTTGAAATTAAGCCAGTTCAAGTACATTTCTAGGATTAATTAAG
GCTTTGTGATCTTATCCCTTTTTCTTTCTTGCTTGTTTTGGTTGAACTTCAAGGTCTTTACCAAGGTGGTGTTT
GGAGAATTAGGGTTGAGTTGCCAGATGCTTATCCTTACAAGTCACCTTCAATTGGCTTTGTCAACAAAATTTAT
CATCCAAATGTTGATGAAATGTCGGGCTCAGTCTGTTTGGATGTTATCAACCAGACATGGAGCCCTATGTTTGA
CCTTGTAATGTTTTGCAAGTGTTTCTTCCACAACCTTCTCCTGTATCCGAACCCTTCGGATCCGTTGAACGGAGA
AGCTGCTGCAGTAATGATGCGCGACCGCACTGCATATGAGCAAAGAGTAAAAGAATACTGTGAGAAATATGC

AAAGCCAGAAGACATCGGTGCTGTTCTGAGGAGAAATCTAGTGATGAGGAGCTGAGTGAAGATGATTATTC
CTCAGGTGATGAGGCCATGGCAGGTCAAGCTGATGCTTGACTTTAATGGAAAA

>trans_s_1303 BT008854|Arabidopsis thaliana At1g80360 mRNA, complete cds

ATCCTGATCCAGATTGGTTAGAGAAGACACTGTCTGAAGTCAAACCGACCCCTAACTCGTTACTGTCGTTAAT
CCTGGGAATCCATCTGGTACCTATATTCCGCAACCTCTTCTTAAGGTTTCCATCTCTTGTCTCCCTATTACTCCTG
CTATCAATATGTTTTACATGCCTTAAATTTTCTTTTCTTCTTTTCTCTTTTATTTGTTACCTGAATCTACTCTT
TGCTGCTTTTTTATGGACTTGCATAGAGATTAGCAAATATTTGCCAGCAGGCTGGATCTTGGTTTGTCTGGAT
AATACATATGAGTACTTCATGTTTGATGGCTTAAACACTGTTGTGTGGAAGGGAATCATATTGTCAATATATT
CTCCTTTTCAAAGCCTATGGAATGATGGGATGGAGAATTGGATATATAGCATACCCTACAGAAGTTAAAGGC
TTTGAGACCAACTTCTAAAAGTTCAAGACAACATTCCCATTGTGCTTCTATATTGTCACAGCATCTTGCTCTC
AATCACTGAAGCTAGGCCCAGAGTGGGTCACTGAGCAAGTAAAGACCTTGTGAAGTGTAGAGATATCATT
CTACAAGCACTCTCACCTCTTGACAAGATGCTGTAAAAGGAGGGGAAGGTGCCATATACCTGTGGGCCAAG
CTTCAGACGAGTTCGCTGATGATCATCAAGTCGTTCTTGGCTCGCTCGTCGACATGGGATAGTTGTGATCCC
CAGATCTGCGTGTGGGTCACCAGGCAATGTCCGGATCTCATTCGGAGGACTTGTGGAGGACGATTGTGAGC
TGCTGCGGAGAGGTTGAGGAAAGGTTTGAAGAGTTGTGCAGTGCTGGAATGGTACAGTGTGAAGATTCAT
GAAAAAGTTGATTAGAGATTCAACTTGCTGTCAATTTGAATAAAACCTTTTAGTCTTTCCACCCTATTGGCTTAC
CACAAAAAGAAGTTAGAATCGGGTAATAATATTTATTGAAAATGTGACACAAAACATCAATCACATTTTCAT
GACTCTTGTTTATATAAAATTGTCTTCTTCCACAAAAA

>trans_s_1304 AJ249331|Cucumis sativus mRNA for heat shock protein 70 isoform-2

ACAAGCTGCCATCTTGAGCGGTGAAGGCAATGAGAAGGTGCAGGATCTTCTTCTATTGGATGTCACCCCTCTT
TCACTTGGTTTGAAACTGCCGGTGGAGTCATGACTGTTTTGATCCCAAGAAACACCACAATTCCCACGAAGA
AGGAACAAGTCTTCTCTACCTACTCCGACAACCAGCCCGGTGTGTTGATCCAAGTATACGAAGGTGAAAGGAC
AAGAACACGCGACAACAATTGCTTGGAATTCGAACTTTCCGGTATCCCTCCAGTCTCCAGGGGTGTTCCA
CAAATCACAGTGTGCTTTGATATCGACGCCAACGGTATCTTGAACGTCTCTGCCGAAGACAAGACCACCGGTC
AAAAGAACAAAATCACCATTACTAACGACAAGGGAAGACTCTCCAAGGAGGAGATTGAGAAGATGGTTCAAG
AGGCAGAGAAGTACAAGTCTGAAGATGAGGAGCACAAGAAGAAGGTTGAAGCAAAGAATGCCTTGAGAA
CTACGCTTACAACATGAGGAACACAGTGAACGACGAGAAGATTGGTGCTAAGCTTTCCCGGCCGACAAGAA
GAAGATCGACGATGCCATCGAGCAGTCCATCCAATGGCTGGACGCCAACAGCTCGCTGAGGCCGACGAATT
CGAGGACAAGATGAAGGAGTTGGAGAGCATTTGCAACCCAATCATCGCCAAGATGTACCAAGGTGCAGGAG
CTGATATGGGCGGCGGTGCAGACGACAGTGTCTCTCCGGCGGTAGCGGTGCTGGACCCAAGATTGAGGAA
GTCGACTAAGCTCTCCCTCTCTCTACAGTATCGATCGGGTCTTACCTTCTCTTTTTTTTTTTTTTGAACAATCG
ATTTTGATTTCTGGCTTTAATTAGTAGTGGAAGCCACTGTTTACCGGCGTAATTTTTTCTCTCTCTCTATC
TGTTATTGTTAAGTTTTGAAGACATTTTAGTGGTGGAATTACTTTGGCCAAAAAAGAAACATTCTGCTTTTC
TTTTATCTTTCATTATGAAATTATTATCTCATACACTTTTTTGGTGGGCAAAAAA

>trans_s_1305 DQ267932|Capsicum annuum ERD15 mRNA, complete cds

AACCTCAGCTTCCGTAGTCCCTAATCTTCTGCTTCGGTCTTCTAACTCTCATCACCATCTTCTTCTTCTCATT
TCACTTTCTTCTCACTCCATCGAACATCTTTCTTCACTCTAACGGTTTGTGGTCTGTAAAGGCTTTTAGAGCTG
CTGTTCAATAAAGAATTGGCTAGTCTAGAGTAAGGATGACATTATTGTCTGGAAGAAATTTTACACTGAACCC
CAATGCTCCAATCTTATTCTTTTGCATTCGCAACGTCGAGGATTTCTCTCCAGAGTGGTGGGAAGTGTCA
AGACATCTCCATGGTTTCGGGATTATTGGCTAAGCCAACATCAGGAAGATGATTTTCGACAGCATTACTGATGA

TCTAGTCACTACAGAAGAGTTTCTTGAGGCTATGGCTCTATATGAAGCAGATGAGGAACCTGAAGTCAAACCA
ACGGCTCATAAGATTCTCACAAAAGGTGCAAGTAATGAAATGGATGCGAAAAAATTACTGAAGGATCTAGTC
ATTCCAAATTCTCCAAAGAACAAAGGTCCAAAGTCTCCAATTGGTCCTGCTAAGTACAATGAGAAGCCAGCCA
AGTGCATGAGCCCCAAACACACTCCAAGGTTCAATCACCAGCCTCGTTGAAAAAGAGATTCTACTCGTTACT
GGATTGCTATTGCAGCAAGCTCATCAAACGAGTGAGTACAATTGTTGTCATCCGAGTTGTGCAAGTTTCACCTTA
ATAATGATGCATTTTCTTCATATTAGCAGTCAGTCATTCACTGCCCTCGCTTGAAGTGATGCAAACCTGGAATA
TCGGATTGTAGCTGCAGCGAGCGCATGGAATGAGTAGAATCGTCTTGTACACAGGTCCTTAAGACAAGTAG
AATAAAATTTGACACAAGTCTTTCATCAATTCATTTTGTATGTATGTATGAATGATGTAACAAGTTATAT
GTATAAATTATCCGAGTCTTGTAGTCTTTCTGTACAGATCTAGAGTACTTTCTGGTCCTCTGTTTCAAACCTACC
ATAATATCATTACTCAATAAAGAGCTGTCTCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1306 BT005858|Arabidopsis thaliana At1g56700 gene, complete cds

ATTGATAATATCACGTTAAAGCTTTTCGCCTTCAACTTCTCTAAGATCACCAGAGCCGAGCAGGATGTCTTTGA
AACAAATAATTGCTTGTAAGTTACATTCCAAACCTATGATAGAGTTCACAAGCAAAAGGCAAAAGAGAGGTAC
CTTTCTAATCATTGAGATTTCCCATCCTCGGAGACTATTGGAAGTTTCTGGGTTCAAAAAAGAACAACGTTGA
AGAAACAATGAAAACAAGAAGACAGCTCCCATAGATTACATTGTTTTTGGTTTTCTTTTTCTTGCCATATGTT
CATTATGCCATGATTTAATCGTTTCTCTTCTGCAATTAGAAATGATGAGTTATTTCTATCCAAATTCATCAAGAA
GACAGATAGAAACATTTCCAAGTTCCAGACGAAACAGAAAGCTAAGGAACTTTTTGAAGACACGAGTCTAGA
AGTAAGAGAGGAAATCAACCTGAGGCTGCCATCCAAGTTCGTCTGCATAACGGAAAGTAGCTTCATTACAGC
TTGCCATTCAACAGCAAACTCGTTGAACCACTATTTACCCCCAAATGAAGCTGAAAGAACATGAATAACAATA
TAACATCAGTAAATGGGAAATTTTCTTTCTTTCTATGTGTGACTTATCTCCTTCTCGTTACTTTTAGTCGAATA
AACAAGTTACCGAATATAGTGTAATATTGTCACGTTAGAATAAAAAACATACTTCTTCATTTTACTGAGTTTAG
ACTTTATGTAATAAATACACTCAATCTAAAAGTCCCAATAAATATATTACACCAAACACTTTCAATAAGCAAAA
ATTTCAATCTCCTCTTTCTACCTTCCCATATTTATCTTCTTTGAACTTTAAAGTGCAATAGACCAAAGAGGGTCT
ACTGTGCTATAGAATGATTTGAATCACACAACGTTTTAATTGAGTTGTTGAGTTGAACAGGATAGAGGATTTCT
TGAGAAGAGTGATGTACTCAAGAACTCAAGCCTCCGCATAATTGTCTATGTATTTGTTTCTCAATGTTTCCTTCG
TTATAGAATAACTACATCAGAACTACTAGTGAGCATTAAAGATTGTGTTTCGATAAAAAGAT

>trans_s_1307 DQ822911|Glycine max MYB transcription factor MYB112 (MYB112) mRNA,
complete cds

TCCATTAACCCTACACATAACTCCATAACTCCACCTCCTCCCCAACCCATTCAAATATCCCAATTTCAAAAACAT
CTAACCTCTCTAATTCTCCCACTTCCCATTTCCCAATTTTGATGTTCTTTTAGACCCTTTTGTTCTTAACCTTTCTT
CATGGCGCTTACCCGTAAAGACATGGATCGGATCAAGGGCCCGTGAGCCCTGAGGAAGACGATGCCCTTCA
GAGATTGGTTCAGAAGCATGGCCACGCAACTGGTCTCTCATCAGCAAATCCATTCTGGCCGTTCTGGAAG
TCCTGCCGTCTTCGGTGGTGCAACCAGCTCTCTCCTCAGGTCGAGCACCGCCCTTTTTCGCCTGAGGAGGATGA
GACTATTATCAGAGCTCATGCTAACTTCGGTAACAGATGGGCTACTATTGCTCGCCTTCTACGGGCCGGACG
GATAACGCTGTCAAGAATCACTGGAATTCCACGCTGAAGCGAAAGTGTTGTTGATGATGAATGAGGGATAT
GAAGTGGATCCGAACGTACAACCTATGAAGAAGTCACTCAGCGCCGGCGTGCCGTCAACGCTTCGAACGGA
CTCTACATGAGCCCCGGAAGTCCATCGGGATCTGACATAAGTGATTCAAGTGTTCTGTTGTATCTCCAACCGT
CTACCGCCCTGTTGCCAGAACAGGCGGCGTTATACCTCCAGGAGAATCAGCGCCGTCGTCCGCCAGCGACCCG
CCGACGTCGCTGTCTTATCTCTCCCTGGAGTCGACAGTTCGCGACACAGCGGAAGTGGGTCAACGGCGCAG
GTACCTCTCATGGCGGCATTTGCTCAAATACAGAGCATGACGACAACAGAGCAGGTAAGAACGGCGCAACCA
AGTGGTGGGGCGGCTGAGAAAATAAATGGGTTTGGAGTTTTCAGCGCGGATTTAATGGCGGTGATGCAAGA
GATGATAAAATCAGAAGTGAAAAGTTATATGGAAGGCAAAGGGTTATCGGAGCAGAGAGGAAGAAGATGTT

TTCAAGAAGCTAAAGCTGGTGGGATTAAGAACGTTAGTTTTTAAGAACTGTGATTCATCATNCAGATTACAAA
CTCT

>trans_s_1308 NM_001065120|Oryza sativa Japonica Group Os06g0715500 (Os06g0715500)
mRNA, complete cds

AAGCTCTCTCAATCATGGCGTCTATGGCCTTCAGGATTTTCTTTCTTGCGCTCCTTCTACTTGCCTCGCCTTTTCT
CCAAGTTGTTAGATGTCAATCGGATGCGGAGACGGAATCTGAAGAGGCCGTTGTTGATGATGCCACTGACTT
GGGGATCGTTGGGGAGGAGGAACTAGATTATGGTGATGGGAGCTTCAGCGCTGCCCCAGGGGTTGATACCG
TGTGTGTTTTCCCAAAAATAGCGCACGTTTAGTAGTGGCCGGAGAAGCGACCGAAATATTATCAGGAGTGA
AAAATAATGGGGATTCTAGCTTGAATGTCCTTGCAATAAAGGCGAGTGTTCACTACTTTTGATCACCATTGA
TTGATTCAAATCTTTCCGCAGTGACTTTTAACAATGCATCAGTACCAGCATCGTCACAAGCAACTTTCCACAC
CTTTTGCAGTCAGCAAATATCTCCAGTCTGGAAATTTTGATCTCGTTGGAACCATTATCTATGAAATAGATCA
GCATCCATATCAAAGTACCTTCTTCAATGGTACCATTGATGTTGCTGAAGCTGGTGGTTTTCTCAGCATTGAAT
CTGTATTTCTAGTTACCCTTGGAAATTGCACTTATCGTGCTGCTTGGTTTATGGATTGATGGTCAAATACAGAATC
TTTCCAAGAAAACCAAGAGGGCTCCTAAGGTTGAAGTTGGAACCAAGTCCTCAGATGCTTCATTAGACGAATG
GCTGGAGGGCACTGCTGCATATTCCGGGTCAATTGTCAAATAAATCAAAGAAAAAGAAGTAGATCACACCTTTT
TCTGCCTTTACACTCGACACGTACCAGATACGCAGTCTCTTGTAACACCAATTAAGCATTGAAATTGTTAAGA
GGCGCATCTTATATCAGTTTTTGGAAAGTAGGCTAGTTTAGACTTTTGGAGAAGTTGAGTTATTTGATAGAGA
TCTTCTAATTAATCCAAATTTTGACCATTAAATTGTTGTTCTTAAGTTACTTCTTGATCGATAACTTTTCTTTAT
TCCATCTATAGATACCACAGTGTTTTTATGCTTACCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1309 EU563917|Oryza sativa Japonica Group Pri-miR1850_1, complete sequence

ATACTCGAAGGCGTCTTTCAGGTCAGTCAGTCTAGCGTTTCCGAAATCTAGGGTTATTTCTCAGTCTGATTCTTT
CAATTTTCTTTCATATTCTTCAAAATCTTCTGAATTGAAGGGGACGGTGACGATTGTATCTAAAGGTCTCGTTC
GTCGTAAGTGGCTGTGTGAAATGGCCTTGACGACCATCCTGATATATCACCACCCATATTCTGAGTCCCTTTTTT
CTTATCAATCATCTTTTCATTCTATAGCGTTTTTATAAACGGTCTTGTTTTGTATGCTAAGATTTTGGTTTGCTT
TTCGAAGTTCTTTTTAATTCAGATGGCCGATGATTAAATATTTTTATTGACAAGCATATGTCTGAATTTATGCAT
GTTGACATCTCTAATCTTCTCTATGAGGCCATTTTCCTTATCCTTGTTCTTTATTAGTTGATCTGTGATGTGATGA
GGGTAAAACGTTTTGTTGTTCTGATATTTTAAAATTGATCTGTTGATGGGATTTGAGTTTGCCCCCGTCTGTG
ATGAGGAATTTGGTATTCGTACTGTATGATCATTTGTGATTACAATTACCTCTACTGCCTTCCTTCTGAGGCTTT
GGGTGTCTAATTTCTGTTTTTTTTTTTTTTTATGATCTTGTGTTCTTGGATTTGATGTAACGAATTAACGATTGTGTGT
TCTTGGATTTGATGCAACGATTTTACGATTGTGGGTCAATGATGATCGTAAGCATAGTTCAACTGAATGTACT
GTGATTATACATCGTTTTTAGTCTTTCGCTCCTATCTGATGACCCTTTTTCTTCTCACCAACGAAGTTTTTTAG
TCTTTTAGGCGAAGCTCAGTTGATCCAATTTCTTCAATTCGATTTCTGTGTACAGTTGGTTCTTATTTTGTCTG
CTTTTTTTTTCTGATTATTTTCGGCGAAACATTTTTTATAAACACTATGTTTACTAATTATTATGCTGTTTCTTAG
GTAACCTCGTTGATTGAGTTATATTTGAAATTGGATTCTGTTAATGTTGATGAACTATCAGTGGAGACTTTCACC
CAGAGTCTACACGAATAGTCATGGTATGTTATGTTTAATTTTGCTA

>trans_s_1310 AY113017|Arabidopsis thaliana At1g73940/F2P9_19 mRNA, complete cds

AGGCTCGTAGTCGTCTCTCTCGGAACCTTAGTGCTTGGCGGCGGCGCGCAGTAGTAGTATTGAAGGAC
AGAGGTGGCGCTTTGAGTCGCGACATAGCGCGGTAGATTGGATTAGATATGAGGTTTCGCAGTATCCAAAGA
ATTGGAAATACTGATGGAGGTGGAGGTCTTCCTGGCCTTGTTCAACACATTTGCGAGGCATTTCTCGAGGA
AGCGAGCAGAAAATCTTAGGAAGATTAATCCCAAGTTGACCCCTCAGGAAGCTTCTTTGGTTGCTCAAGATCT
CTATGGTGTTATCCAGCAGCACGGCCCTCTACCGTTTCCAATGCTTGGATTAAAGCTCAGGAATCTGGCGTGA

ATGGATTGAACAGCAAAACACACATGAAGCTACTGCTGAAATGGATGAGAGGAAGGAGGATGCTGAACCTTT
TCTGCCACTATGTTGGTTCCAACAAGAAATTTCTGCTTTGTAAGTCCCGATGATCCTCGTGCCGAAGAGTTGAAG
AATTATTCAGAATCGGGACCCAGAGAAAGAAGAGAGCGAAATCACCAACAAAGAGAAGAAAGACATCAAA
ATAGACCTTTGCTAACGTCTGTTATTTTAGCATGCAGTGGGCTGGCTATCCTCCTTTGAGTTCTTACTGATGCG
GGCTCACGACGCATGGTGAATTTGTGAGTCCCTCCACCTTTTCTGCCCCATTTGAGTCTATTTGGTCATAT
GCAAGGTTTTTTTTTTTTGAATATTTACATTGACTTGTTCATGTAATTGACTGATAAAGCATGTATTTAAATT
CATCTTCGATAAGGCATGGATCACGATGCGCTCATTGGATGAATAGCTAGACTAAACCACTATGGATTGGACT
AATAGGAGCCATCTAAATAAAAGGCTTAGAGTTTTAAATCATGTTGCCATGTACTTAGACTTGAGATTCTATG
GATTACTTTGGCGAACAAATGTAGTAGGGTGATGGTGAAGTGTCTAGTTTCAATTTAAGTGCAATCAGCTACTTT
GAAATTTTATGTTTTACCGATGAACTTCGAATACACATTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1311 XM_002892351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ceramidase family protein, mRNA

CTGACAGTATTCCGCGCAGAGTCTCAAACATTATCCTGAAGTATATAAAGACAAGCAGGAGTTGTTGGAACG
TGCAGCATCGTTTCAGTCACAACCAGGTAGACCAGCAACCAGGGCTCTAAGCGTTTCAAGCCGTGTTAGAAAT
GTTCTCAGGCAGGCTGATAGGCCGCGAGTTTGTATCTGCTTTTTGTCAATCAAAGTGTGGTGATGTTAGCCCAA
TACTCTTGGGGCATTCTGCCTAGACACTGAACTGCCATGTGACTTTAACCACAGTACTTGCGGGGGAAAGAAT
GAGCTATGTTATGGACGTGGACCGGGCTACCCTGATGAATTTGAAAGTACACGTATTATTGGTGAGAGGCAA
TTCAGAAAAGCCGTAGATTTATTCGAAAAGCGTCGGAACATCTCACAGGGAAAGTGGACTTTCGTCACTCTT
ATGTAGACTTCTCCACCTTGAAGTGTCTTACTAAACAGGGAGGAGCCGCTGAGGTGGTAAAAACATGTCC
TGCTGCTATGGGATTTGCGTTTGCAGCTGGGACAACCTGATGGACCTGGAGCATTTGATTTTAAGCAAGGAGAT
GACAAGGGCAATCCTTTTTGGAAGTTGGTACGCAATTTACTCAAAGCACCAGGCAACGAACAAATTAGTTGTC
AAAGCCCCAAGCCATTCTGCTTGACACCGGCGAGATGAAGATACCATATGACTGGGCTCCACGATACTTCC
AATTCAAATTCTCCGATTGGGCAGCTTGTCACTTCTAGTGACCTGGAGAGTTCACAACAATGGCGGGGAGA
CGCCTTCGAGATGCTGTAAAAACAGTGTTAACTACTGGAGCCAATAAAGAATTCAATAGCAATGTTTATGTTG
TCATAGCAGGCTTGACTAATACCTATTCTCAATATGTCACCACCTTTGAAGAATATAGGATGCAGAGATATGAG
GTTAGCGAATTGGTCTTTACCCCTTTGTGTACCTGTCTCTATTTTAAATGTCTTATTTCTTACTTTTAGAATTT
CTATTTATTCCATTTTTGGTCCATGAATTTTCAAATGTCTATTTTAAATATCCAACTTAAAAATGAAAAA

>trans_s_1312 NM_001063987|Oryza sativa Japonica Group Os06g0300700 (Os06g0300700)
mRNA, complete cds

TAGCTCGCTTCATTTGAGATCATCTTCAAGCTCACTAGGTAGAAAGTAGAGATCTCTAGATGGAGGTGCCACC
AATTGAAGATTCTGAGCTCCAGCTTCTGCCGATACTGTTTCATCAAGAACAGGATGATGTGCTACCTGTCCCTG
ATACCATAAATGATGGAGTCATGGAGCAGAAGCAAGAAATCACTGAGGAAGAAGTAAGAAGTACACTGGAA
GCGATTGCATCCACGGGAAAATTCTGGCATGATTGGGAGAAATTGAAGAGTATGCTATCCTTTCAACTGAAGC
AGGTATGGGGAGGTGCTGTGAGAGTATCCTGAAGCAAAAGCATCCAATGAACTACAAAGTACTTTAGGAGAA
ACCTTCTCAGAGCTGGTAAAGCGGTTTCGATGAAGCACTTCATAGCTTCGTTGAAGGTCTCCATTTACCCCTCA
AAGGATTTGTGAGATCCTATTGGATGCATGTAGCATATATCCCAATCTCTCAAAGCTTGCCTTGTCTTGAAA
AGAATCTTCTGGTGACATCCACACTTGCCATCAGTTCTGACCCGCATGTACAGTCTCCGACAAAAAGCCAAAC
GAGTCAGAGGGACTGGAGAAAGCTGAAGAACAAAAGCTATCCAATGCAGTAGAAAATGGAATTGAACCTAT
AGCTGGAGACAGGGATGAAGTAATGGTGGAGGTTGAAGAGGCCGATATGAATGATGATATGACGATGGACA
TGGAACCTTTTGAAGAAATAGTTGGATCATCTGAGACAAATAATGCTCCAAACAGTAATTCTTAGCTTTCTCTG
GTCACCTTAAAGCTAGCTGCTGTAGTTCGGCTGATCTTTTCATAGTGAGGGAGACATGACTGGTAATCCATAG
TTTTTCGATATATCAATTTGTTTGAATCCAATATAATTCGGTTCAGATGTGTTATCTTGCAATTTGGGAGAGGAAC

GGGTTACTTGGAATTAGCCTACAATATGAGCCTTACTATTTTGGCTGGTATGTTTTCTTGATCAAATATTTGAGT
GAACTGATGTTTTAGTTTTGAACTTTGGATATGACACTTCTCATTTAGCTAATGAAAATGATTTGGCGCTTTG

>trans_s_1313 NM_115042|Arabidopsis thaliana ATG5; phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 5-phosphatase (SAC8) mRNA, complete cds

CTCAAAGCTTCACTATTGCAGATTCGAGGTTGATTCTCTACTTTGGGAGCAAATTGTTGATCTGAGCTATAA
ACCACAACCTTAAATTTTAAATGATGAGAAATCGTCAAAGTTGTTGAACGTCACCTTTTTGATCTTTCACAAC
GATATGGAGAGATAATAGCAGTCGACTTAACCGATAAACATGGTGAAGAAGGTCAATTGAGTGCAGCGTTTG
CTGCTGAAATGCAGAAGCTGCCAAATGCAAGATATGTCCCTTTGATTTTCATCATACATGTGGTACCACAAAG
TTTGAAAACCTGCAGCTTTTATATGATCAAATCTCAGAAGATTTTGAAAACCAAGGATACCTCCTCATAGATCC
AGAAGGAAATATACTCCAGGAACAAAAAGGAGTTATTAGATCTAACTGCATCGATTGTCTTGATAGAACAAAT
GTTACTCAGTGTTTCTGGCTCAAAAATCTTTGACCAACCAATTGCAGAGGATCGGACTACTTACATCTGCCGA
GTGCATTACGAACTTCAATGAAGATTACACAAAATTTAGAACGTTGTGGGCTGAACAAGGTGATGAGATTAGC
CTTGAGTATGCTGGTACTCATGCTTTGAAAGGAGACTTAGTGAGATATGGGAAGCAGACTTTTTCCGGAGTAA
TCAAAGATGGGATGAGTGCTATTACCAGATATTATCTGAATAATTTCCATGACGGAGTTCGGCAGGATGCAAT
AGATCTTATATGTGGCCGCTATAGCATCAACAAACAAGGTCCTTACCATTCCAGCTGAATGGATTGGAATCAC
TATCTTATCTCCCGGTAGCATCAGCTCTAGTGTTGGAGTTTGACGATTACATCGCTCACGCTTCAGCAAGCG
GGAAGGAATGCGCAGCAGTTTATGTCATCTGTGCTTTGGGCTGGTGTTACTGCTGGGGTGATGGCAGTGGTC
AAAGCAAATGGCAAACAGTTCTGTTCTAGGCCTCGCTTATGCAGCCTCCGTTGAAGGTTCCGGTCTCATTCCAC
ATTTTTTAAAGCTTATATTATTTATGGACAGAAATGCACTGCTGATTTACTGTAATTGACCCCTTACATG

>trans_s_1314 NM_179117|Arabidopsis thaliana ATP binding / kinase/ phosphotransferase, alcohol group as acceptor / uracil phosphoribosyltransferase (AT4G26510) mRNA, complete cds

AGAAGGCTAGAGACATAGCTGCAGTACTTGATCAGTATTCAAATTTGTGAAGCCTGCTTTTGATGACTTCATA
CTTCCTACAAAGAAGTATGCTGATATCATCATTCCCAGAGGAGGCGATAATCACGTAGCCATTGATTTAATTGT
ACAACATATTCGCACAAAGCTTGCTCAGCAGCATCTTTGTAAAATATACCCTAATTTATATGTTATCCAGTCAAC
CTTTCAGATACGAGGCATGCATACATTGATACGTGATGCTAAAACTACAAAGCATGATTTTGTTCTATGCTG
ACCGATTGATTCCGCTGGTTGTTGAGCATGGTCTGGGACATTTACCATTCACTGAAAAGCAGGTGACCACTCC
AACTGGATCTGTATATAGTGGTGTGATTTCTGCAAGAGGTTATGTGGTGTCTCTGTCATCAGGAGTGCGCAG
AGTATGGAAAATGCTCTACGGGCATGTTGTAAAGGCATTAAATTTGGAAAGATTCTCATTATAGGGAAGGT
GACAATGGCCAACAGTTAATTTATGAAAACTACCCTCGGATATCTCCAATAGGCATGTTTTACTATTGGATCC
CATCCTAGGCACAGGAACTCGGCAGTGCAAGCCATTTCTTTGCTCATAAGTAAGGGTGTTCCAGAGCCTAAT
ATTATCTTTCTCAATCTCATATCAGCACCTCAAGGCGTACATGTGGTGTGCAAACGTTTTCCAAGAATAAAGAT
TGTGACATCTGAAATTGAGATCGGTTTGAATCAAGATTTTCGAGTGGTGCCTGGTATGGGTGAGTTTGGGGAC
CGGTATTTTGAACCGACGATGAGGAACAAGTGAGGCCTCTCCACAATAGTTGTTCTTTCAAGTAATAACACT
CCCACAAACACAAAAATCATAACTAGTTGTGGGTTGTGGAGAGAGACAATCTCGCCTCAAAAATAATGTGGTTA
TTATATGATGCGTTTCACGAGGTGTTTCAGAAGAAAATTTTGACTCATAAGTGCCTTATATGGAACAAACGTCC
CTTATTATTATTATTGTTATTGATTATTGTTACTATTCTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1315 XM_002879219|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata chloroplast thylakoidal processing peptidase, mRNA

ATGTCGTAGGTTTGATTTAGCTTATGAAACCTTCTGTAGGTACTTCTCGTTCCCCACCAATGCTCATGGGCATAT
TTGGTGTTACTTCTTTGAAGCATCTTCGATTATCCATTTTACAGGGGTGCAAGACGGTTACCGGTAATGAA
TCGATTTCCGGGCTCAGCGGGCGATGAAATTGAAAGTTATGGAGTTTTTGACTGTGTAATGGACGAGGGCATG

AGCCAGCCGCCAATCCTTCGCAGTTAGAGAAGAGTAGCTGGATATCACGGTCTTGAATAACTGTTCTGAGG
ATGCCAAGGCCATTGCTACAGCTTTGACTGTTAGTGTGCTTTTTCGCTCCTCCTTGGCTGAGCCAAGATCCGTA
CCTTCTTCATCAATGTATCCAACCCTTGATGTGGGCGATCGCATCTTGGCTGAAAAGGTGTCATATTTTTTCAG
AAAGCCGAGTGTCTGATATTGTCATTTTCAAGGCACCTCCAATCTTGCAGAAAATTGGTTACAAGTCAAATG
ACGTCTTCATCAAGAGAATTGTGGCGAAGGCTGGTGATTGTGTTGAGGTACGAGATGGAAAACCTTGGTGA
ATGGTGTTGCTCAAAACGAGAAGTTCATCTTAGAGCCCCTTTCTTATAACATGGATCCAGTGGTAATATACCCT
GCCCCTCTACTGATTAAACACACATTTAATGTGGGAGAGCATGTCCATCAAGAAATTGTTGAATGTTATGTGTT
GTATTGCAGCTTGTAACCGAAGGGTATGTTTTGTACTGGGGGACAATCGCAACAACAGTTTTGATTCTCATAA
CTGGTAATTTGACTATCTCGGATTTGATTTGCCTCTATTTTCTCAGCAGACCATGTTATCATTTATACTCAGGCA
AACCATTTGTTCTCATCGGGTCTGTTGTGCAATTTGTTTCTATATTGCACACAAGTTTCTACAGAATAATCGTCA
GTATTGAATTGTGCTCTCATTTTGCATTTCCAGGGGGTCACTTCCTGTTGAAAACATCGTCGGTAGATCAGTGT
TCCGATACTGGCCACCGTCAAAGTTTCTGATATCATGAGTGATCAAATGCAAAGAAAGATGTG

>trans_s_1316 NM_001066778|Oryza sativa Japonica Group Os07g0608500 (Os07g0608500)
mRNA, complete cds

GTTTTCTTCGTCTTCAACCTAGACTACAAGCAGAACAGCGGTGAACGGCGACCGAACCACCGCCACCAACCAG
TCATGGCTACCCAAATGAGCAAAAAGCGAAAAGTTTGTGGCTGATGGAGTGTTCTTTGCTGAGCTTAACGAAGT
TCTTACTAGAGAGCTTGCAGAGGATGGATACTCCGGAGTGGAGGTTAGGGTTACACCTATGCGTACTGAGAT
TATCATTAGGGCTACTCGCACTCAGAACGTTCTTGGTGAGAAAGGAAGGAGAATCAGAGAATTGACATCTGTT
GTTGAGAAGCGTTTCAAGTTCCTGAAAACAGTGTTGAGCTATATGCCGAGAAGGTCAACAACAGAGGACTCT
GTGCCATTGCTCAAGCTGAGTCTCTGCGCTACAAGCTTTAGGAGGCCTTGCTGTGAGAAGGGCCTGCTATGG
TGTTCTTAGATTTGTCATGGAGAGTGGAGCTAAAGGATGTGAGGTTATTGTTAGTGGTAAGCTGAGAGCTCA
GCGTGCAAAATCCATGAAATCAAGGATGGCTACATGATTCGCTGGACAGCCAGTGAAAGAATATATAGAC
TCTGCCGTGAGACACGTTCTTCTTAGACAGGGTGTTTTGGGTATCAAGGTCAAGATCATGCTCGATTGGGATC
CTAAGGGTAAGCAAGGTCCACCGACGCCTCTTCCAGATTTGGTTACCATCCATACTCCCAAAGAGGAAGAGGA
TTTCATCAGGCCTGTGGCTGCTGTGATCCCGACGGCCGAGATTGAAGTTGGAGCAGCTTAAGAGATGAGAGA
CATGAGGGAGGAAGTAGTGTAGTGTGCTTACTATAATGTCATTTGTTTCAGAATATGGAATTTCTAAGTTTTG
ATGTCGTTTTCTGTTTTGAGTTTTGATTTGGGATGTTTTGTTACAAAATATTACACAAACTTCGTAAATTTAC
TCTCATCTCATATCTCCTAGTGTTTAATGTAAATCTTATTTCACTTCTGTAACATGAGCCAAAGAACTCACTTC
TATTGTATCGATTCTCGATCTGGTTTTTCTGTTCTGAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1317 AF492824|Phaseolus vulgaris photosystem I-N subunit (PSI-N) mRNA, complete cds

GTTGGGTTGTAAACCGGGTTTTTGTGGTCGCGGGGTATTAACTCACTTTCAGGGGGAGCGGGTTTTGGGCCT
CTCTTAGGGTTGAATTGGTTTTTTTTCTTTTTTGGGTTTTTTTTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTAGGGTTTCTACTTTCAC
ATTTTGCTTCTTTGGTCTCAAAGGGAGAAAAGAAAACAATGGTATAGGAACACATGTCCCCAAAAAAGGCAA
ACAATAAAATTTACACTTATCAATAGTTGAAAATTAGATACAAGGGGAAGACTGAGTAATGGTGGTGAGGG
ATACAAAGCCTTTAAATGGCTCTCTTCTTACCATTTCAGAAGACATTGGAACCACACTTGTACTTGTCTT
TCCCTTCACACTCCAATCCAAATCATCAGTTATAAATGGAACCTTCTTTTGTGTTGGCAAGATCTTGGCACCTG
TGAAGTTCTCTGGGAACCTGTCATGTTCCAAATCAACGGTGTATGCCCTTGCAAAGTTTGCCCCACTTGTTGCC
AATCTTTTCTGTCAATTCCTGTTAGCTTTACTCTTCTCAAGATAATCTTCAATGACTCCAGCATTAGCAG
AGGAGTTAGAGGCAGCCGAGCCGAGCAAAGAGGGTGGCTCCAAGGTAAAGAAGCGCAGTCCTCCTTCCTT
CGTTCTTAGCTTCAGGAACCCTAGCCTGTTGAGCCCTAATAGCCGGCAACTTGTAACCCACAACCCCAGGGGA
CGCAACAGAAGGGACGGCGGTGAGTTTAGAGTTCAGGTCGGCCGATCCAGCGCCGGAAATGGCGTAGTTGC

AAGCCAGAACACTGGAATTCATGGTGGCCATTGGTTTGGAAAGTGATTGGACAAAGTTGGAAATGGAATTAAT
GGCGGTCAGTTGTTGTTAATGGGGGGTAACGAGATTACGAGGGAATCTGATAAAAGAGGAGATTTGTTGAG
ATGGAAATGGATAAGGGATTGTGGTGAGAGTGTGGATAAGGTGAGATTCCTCACTCC

>trans_s_1318 AF174429|Arabidopsis thaliana FH protein interacting protein FIP2 mRNA, complete cds

AAAAACAAAGACCTCCTTCTCGCTGTTTCCCTTCTCTCATCTCCAATTCCTGCTTCATTTCAATTTTCACCACC
GGAGTTCCGACATTCCTTCTCTCACCTCATCAATGAAGGGCGTCTCTGATCCTTCTCTCATTCTGCTCAACATT
GGTGGGAAGAAATTTAGAACAAACATTAGATACATTGACTCTGCGGGAACCTGATTTCGATGCTAGCTGCAATGT
TCAGTGGCCGTCATACCTTATGCCAGGATCCCGAGGAGGGATCTATCTTTTGGATAGGGATGGGAAACATTT
CCGTCACATTCTCAATTGGTTAAGGGATGGCATAGTTCCATTTCTTTCTGACTTTGACCTTTTAGAGCTTCTGCG
TGAGGCAGAGTACTATCAATTGCTTGGACTCATGGATCGAATCCGTGATTTATTAAGTAATAGGAAGGAAGAC
GAGGAACCTCAGTCAGAGCTGAAGCGTGTGATATTATCAAGTGCATTGAGTCTGAGAAAAGTTAGACTGCGA
GGGGTTAACCTTTGTGGCCTTGATCTTTCAAGCTGGACCTTTTATATGTAGACTTCAGCTATGCAAGTCTTAA
AAATGTGTTCTTCTCACGTGCAAACCTTCAGTGTGCTAAATTTGCGGACGCGGATGCTGAGGGCTCAATATTTT
ACAATGCAACTTTGCGAGAATGTGAATTTACTGGAGCAAACCTTCGTGGGGCCTTGTTAGCAGCTGCTAATCT
TCAAAGTGCTAATTTACAAGATGCCTGTTTGGTTGATTGCAGCTTCTGTGGAGCAGATCTACGCTCTGCACACC
TTCAGGGTGCCGATCTAACTAATGCGAACTTGGAGGGAGCTAATCTCGAAGGAGCTAATTTGAAGGGCGCAA
AATTTCTTAACCCCACTTGAGGAGTGCAAACCTACAACGAGCCTATTTGCGATATGTGAATCTTAGAGACACT
CAGTTGGAAGGTGCAAGACTTGATGGAGCAAATTTACTGGGAGCAAATCAGGTGATAAGCATTAAAGGTGCA
TGACTTAAGAATATATCTATAGTTTTTTAGTATTTTCTATTGTATATACAGATAGTGGCATTCTCTT

>trans_s_1319 NM_001037073|Arabidopsis thaliana LMBR1 integral membrane family protein
(AT5G65290) mRNA, complete cds

AACAGTCTAATAAATGAAGACATGAATGGGAAGTCGTCAAAATCTTCCGGCGATGAGGGTCGGAAGTATGGT
TCTAGCAGAGAAGCCATGAGCAACAAGTATGCTGTAATTAGAGAACAAATTAGACAATCAACATTAACACAA
AGCCAGTGCCGAACATTGCTTCTGCCAAGGTCACCTTACTTGATACAGAAGATGGTGAACCTAGCAATACCAA
TGAAAAGACAAATTCTGGTTTGGCCTCAAAGTGGGAATCAATGAAGATGGGTTTTCAAACCTCAAGGCTAAT
ATAGGAACCAAAAAGTTTCTCCCTGCCCGAGTTCAAGATTCAAAAATCTCTCTCGTCATGATTCTACTCAG
TCCCTTGACGAGATCTTCCAACGATTGAAACGGCCATCAGATCATGTAGGTTATAGTGACGAGGAAGATGGG
ATGGAAATCAGGAGTTCTGAGAGAATAGAATTTGAGCGGAGGCCAACTAGATAACAACCACTTTTCTCTCTT
AGGTTTAAGAATCAAAGAATGCTGTTACCATGTACAGCCCTTGGTGCCAGTTTAGTTGTTTACTTGACAGTTGGA
TCATCCCTCATTTGAACACATGTTTGGAGCGTTCCCCGCTAGATTGACACTTACGTATATAAGCTGACTGGTGG
CAAGAAAATGAGGATGGAGATTACACTCACGAAGTTCAGTCGACCACATGGTCGTAAAATTCACAAAG
GTTGCAACTGCAAATGTTTGTGCTTGGCTGCATCAGCATTGCTTTGATTCTTGAGATTACACTCAGATGCCAT
ACGTTAAATTTATACTGTATCTTTTTCTGGTATTTTGATATCAATATGTGAATGTAATTGGAAATTGTTTTAGG
CAACAAAGGTTGAAATCTAGACTCCAAAAAACTTGATCTGAATGGTTCCGACATTTTGATATTTTCTTGTA
GCTAGCTGTAACCTTTCATATGATTTAAACGAGTCGTTGTATGAGTCAGCTATTGGCACTTTAGGGGAAACAA
AAAGGTGAAAAGTCAGCCATCGCTAAAGGGCCTTAGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1320 HQ738488|Cucumis sativus RNA-dependent RNA polymerase 2 mRNA, complete cds

ATGATCAATGACACATTAGGTGCCATTTCTACTGCTCATTTAGTTCATGCTGACCGGGAACCGAAAAAGCCCT
AAGTGCGAAATGTTTAGAGCTGGCAGCACTGCATTCCATGGCAGTCGATTTTGCAAAAACCGGAGCACCAGC
GGAGATGCCTCGAGTTTTGAAACCGAGGGAGTTCCAGATTTTCATGGAGAGATTGATAAACCAATGTACATA

TCCAGTAATGTATTAGGTAACTCTACAGGGCTGCTATTAAGTCCATTGAGCAAGAAAGGTCAAGACTAGTAT
GGTCGGAAGAGGCTGCTAGAGCAATTTACGATCACGATCTTGAAGTCGATGGCTTTGAAGCATTCTTGAAAT
AGCTGAAACTTACAAAGAAATGTACATAGAAAAATGAGCATTTTGATGAACTACTACAGTGCAGAGTATGAA
GATGAGATATTAATGGGCGATCTTCGAAGTCGAGCATCTTATCTACAACGTGACAATCGCAAGTATGGTGATA
TGAAGGATCGGATTTTGCTTCGGTAAAGAGCCTACGCAAGGAAGTCGAAGAATGGTTTGAGAATAGCTGCG
ACCCACACCAACGCAGGATGATGGCTTCTGCATGGTATCATGTAACCTTATCATCCTTCTTACTTCAAAGAAGAC
ATGTTCTACTTTAGCTTCCCATGGGCTGTATCTGATGTTTTACTCAACATAAAGGCAACGAACCTCCAAAAGACA
TCAAGCATAAAAGGAAGTCTAGCTCTAGCTGTGCGTTGTTAGCCAAACATGTCATTTATTCCTTTACCTGACT
AACCATAATCCATGTTACTCACTACCACATTTTCAAGCCTCTATCTTTCTGTGAAGGTTGAAATATGTTGAACCA
AGTAACGATGGTCATGACTTTCTATTTTCTTGTTTATATCCGGTGGGTGATTGAGTCAACTAACGTAGACCTT
GCCTAGTTTCATCGAACAATCACTTGACCTAAATGTAGCCGCTGTTTATGGAACCTCTGGTTTCTTTTAGGGAT
TTTCCATTTACTTCCCATGGAAAAGATTGGGGAAAGACAGGCCACCCATATAAAGCAACTTTCTCT

>trans_s_1321 AY110285|Zea mays CL47158_1 mRNA sequence

CTTCCCTAAATTTCTAGGAAACCCACCAAATTTCTTTTATGCTATTTGGTTGATTCTCAATCCCCTCAATTAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAACTTTCCCTTTTTCCCTCATCTAACTTTCAATTTTCTTGCCCCAAAGTCCACTCTAT
CTCTTTCAATTTAAATACTGGGTTTTGGTTTTCCCTCAATCGATGTTCTTCTCTGCGTTTTGGCTTAATTT
AACCATGGTGATGCTCAATAGTTCTTTCGCTGCTTGGATCAGCCGTTGTTTGCTGCATGGGGGGTTGTTTTG
GATGCTGCACTAAACCCACACCTATTATTGCTGTGGATGAGCCATCTAAAGGATTAAGAATTCAAGGACGAGT
TGTTAAGAAACCTAGCATATCTGATGGTTTTTGGAGCACAAGCACATGTGATTGGATAATAGCACCATTGAGT
CTCAACGGAGCATCTCGTCTATCAGTACATTAAACCTCACTCTCAGCAATAGCAATGTTGCTGGCAGTGTGAGC
AGCTCTTCTGAATTTATAAATCATGGTCTCCTTCTCTGGAATCAGACTAGGATGCAGTGGATTGGAAGTGGTAC
TACTAAGTTGACAGATGAACTCAACAAAGACAGAAGGCAAAAATCAGTTGGCGTGCAACGTATGACAGTTT
ACTGGGTACAAGACAACCTTTTCCCATCCAATTCCTTTGTCTGAAATGGTCAACTTTCTTGGAAGTATGGG
AACAGGAGGGTCTATATGATTGAAAATGCTTTTGTTTTGGATACATTTCTGAATCTTTAGGAAGCTTCTCTGT
ACGGAATGCAAAAGGGTTTTTCTTTTCTTTTCTTTATCAACAATCCTACATTTTTCAGCTGTACAAAAGTATTT
AACACCAATGTGCTTGTGCACTTTTGGCTTTTAAAGACAGACAACAGAAGAAGCAACTGCCTTTGATAGTGTG
AGTCAATATATATTATTGGCATTCTTGAAAATATGGAATCTTATAGCCACCATTTTCAATGTATTCTCCTGTCT
GTTCTTCACTGTTCACTTCTATGAATAAGAAGTGAATAATCCACCATTCA

>trans_s_1322 NM_001067301|Oryza sativa Japonica Group Os08g0102100 (Os08g0102100)
mRNA, complete cds

AAGATCGAGAGTAACTGCTGCTACCTTTCTGAACTCTCTGCTGCTCCTGAGCTCTTGGAAAGGACTGGAGGT
TTGGGTGACAACAGATTGTTTTGGACGAGAGTAAGATTGCCAAGAGTATCAAGTTAGTTGCCGAGAGTCTTG
CAAGGCATATTTACAGATACGAAGGAAAGAACATACAGGTATTTGCAGATGATAGTAGTTTGGCAGTCAATCC
AACTTATATTCGGTCATGGGTGGATCTTTTATCACGAACGCCTCGAGTTGCTCCATTCTGTGAAAGACGACC
CTTTCATATCGGCATTAATAAAGGAAGTGGAGGTCCATACCATGATGTGAGCTTGCAACACGAAGTATTTGA
GGGATATTCACCTTTTATGGTTCAACTGCAGCTAACTTACGTATACCAGGTCGCTAGTGTGACATTTGACT
TGCTTTTGCTTTGGTCTTGGGATCTTATTTAGTTTTACTCTTCTGTTTCCTCGTGATCACAACAGGGGTCTCGA
TGATCTGATCGGTTTATTTAGACGCCCTCCTTCCGAAAAGTAAAAACAGCTTGATGAGTTGAGTAGATTTTGA
TGCTTGGAATTCATCATTGACACCCGAATTTTGAATCTAGATTAGACAGGCCTAACGATGGGGTCCAAGGT
GTCAAACCAATCATCATTAGAGCTGGAGGAACTGAAGGGGATTTTGATGCTTGAATTCCTCGCAGAATTCTCT
GTTTCTTTCTTTGACATCCTTTAGTTGTTATATCATCTGTGACATAATAACAGTTATTGAGAACTCTCGAGGTGC
GATATTTTTTCTTTGCTCTCCATATTTAAATTCCTACTGTTTAAACCCTCCATTTGTGGCTTCCACTTTTGACTATG

ATTTTTACCCCTTGAATTTGTTGGGTCTATTATTTCTTTGCTCAGTTGATATTAGTGAGTGGCAGGCAATATA
TTCAGTTCAGCAGTTAAGAAAATCTTTCCCAGAGAATATGTTGAGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1323 AJ580822|Lotus corniculatus var. japonicus gene for coatomer alpha subunit-like protein

CGACTGTAAACCAAACCACAACCAACAATTTCTCTCTCGAATCAATTTCTCAAATCGGAGCGATCATGGAG
GCCGTTTCTGGATCATCATCTTCTTCTATGGAATTTGTGTTTTATGATGATTTCTGAATATGAATTCGTTGAA
GACATCGAACGTCTTTCTAACTGGGAGTTGCTCGATACTTTGATGCCGATTCAGAAATGGGCGGAAATGGAG
GGGAAGAACAAGGGGAAAATTACAGCGTCGACGATAATGTTTCTCAAGATCTTCGAGAAATGATTTCTCCCGT
TCTCGCAGTGCCGATTTGCTTGTGGAGGATCGAATCGACGGTTCGTTGGAAGATGCTTGTTCCTCACAATC
AAGCGGAAGACGGTTTTGCGTATGGTTATGACGATGCGGAGGAGGAAGATGAAGTGGATGATGATGAGGA
GGATGAGTTCGATTTGGATGATGAACTCGTTCGGTCTGTTAGTGACAACTCGGACGGCAGAGGATGAG
GAAATTGGGGAAAAGAGGTTTTACGAAGATGTATAATTCGAAGAGATCTCCGTTTTTGTTCACCAAGCCAGGA
TGTGTCCGCGCAAACACGGACTCGGCTTGAAACACAGCTATTAGAACAAGAACAGATTCATGAACTCTGCTT
GCCTTAAAAAGTAATCGACTCTAAGTCCAATTTGGCGTAGAAGTAAATACTAAATAGATGTAATAATTAAAT
CCCAAAACTAGTAGTTTCGTTTGTGTAAGTAGCAGCAGTATTAGTAATAGTCCCTGTAAATCCAATTTGCCG
GGATGGTTTTCTGTTGATTTAACAGGCTTGGATTAAGGAAGAACACATTAATCAAATTCATCTTTGTGAAAT
TAATCAATCATTTGTCTATATTCTCCTAAGTTATGTCCTCCACGAGAATCGTTATGCTAATTACTATATTCTTTGT
TGGATTAGCTGTTTTGTTTGCTACACTCTAAGTTCATCTTTGTGGTTGATGTACTTTGCCCCAAAATCTGGAA
TCTGGGACATACCTTCTGAACAATTGATAATGATTCGTATCATTTCTCTAAGTATGTAAATGGA

>trans_s_1324 NM_001112582|Zea mays transcription factor subunit NF-YB2 (LOC100125651), mRNA gb|DQ333304.1| Zea mays transcription factor subunit NF-YB2 mRNA, complete cds

CTCCTGAATTTGCCCTGAAAAAGGGAAAAACAAAAACGAACGGTGCTGATAAACTTGATTCTCTCATCTCAG
TCGTCTCCTTTCTCTATCTTCACCATCGTCCGATTCCATTCCACCACTCCATTTCCACCCGATCTAAATCCTTCTC
TCTCGCGCCCAAATTACAAATCTTCCGTTTTCTCCACCAGGGTTTTGGTGAAGATGGCTGATGCTCCGGCGAG
TCCCGGCGGAGGAAGCCATGAGAGCGGTGAGCAGAGTCCGAGGTCTAATGTTGCGAACAGGATAGGTTTC
TTCCTATTGCGAATATTAGTAGGATCATGAAGAAGGCTCTTCTGCTAATGGGAAGATTGCTAAGGATGCTAA
AGAAACCGTACAAGAATGTGTATCGGAGTTTATCAGTTTTATTACTAGCGAGGCAAGTGATAAATGTCAAAGA
GAGAAACGGAAGACGATTAATGGTGTGATTTACTTTGGGCCATGGCCACTCTTGGATTTGAGGATTATATCG
ATCCACTTAAACCTACTTGACGAAATACAGAGAGACGGAGGGTGACACTAAGGGGTCTGCTAAAGGTGGTG
ATGGGTCAGCTAAGAAAGAAGCTCATCCAACCCCTATTCTCAGATGGCTCATCAAGGGTCGTTTTCCCAAGG
AGTTAATTATGCAAGTTCTCAATCACAAGCCAGCATCTGATGGTCCCTATGCAAGGTAAGTACTGAAATTGCC
TCAAATCGACCATGTAACTGTTGAATTTGGAGATCTTTGTTTCAAGTATAACAGCAAAATTTGAGTCTATTTATTT
AAAGTTTGGGTGGTTTTGATACTTTTAATTGTAGAAACAGTTGCAACTTTGTATATTATTATGGCTGTCTATTGG
ATTGGAAGTTAGGACACAGTATTTGATAGAGGTTCCAAGTCTGGGGATCGCATTTATTCATGCTTGTAACCT
TACAACCTTTGCAAGGTCTTGTAGGTCTTGAAAAAGACTTGGTAGCAGTAGCACCTCTGGATTTTTTTTAGAA
TCATTTTCTAATCAAAGAATAAATTGTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1325 AY042901|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T22E19.15) mRNA, complete cds

AAAAACCGACGACGAAAGAACGAACCACGAAGAAAAAAGGACGGCTGGCAGCGGCCGCGCCCGATCGG
AAACTTCACCGGAGCTGAATCAGTTACAATAATGGCTACTAATTTGTTTGAATAGTCATAATCGCCTCTCTGC
ATCTAATTGCTTTTGTTCGCCATCGGAGCTGAAATGCGCCGGAGCACGGTATCCCTTTCCTCTTTTCTGAT

TTTTCTGAAAATTGAGACTGCTGAGACCTTCTAAGTTTTTGTCTGTGCGTTTATGGACTGAAAAGGCAGAGG
TAGTGCCCGGATAAGTACGACGAGACTACTTATTGCGTTTACGATTCCGATGCGTCGACGGTGACGGTCTTGT
AGCGTTTGGTTTGTTACTGATTAGCCAGACAGTGCTTATGGTAGTTACAAGGTGTCTCTGCTGTGGTAAAGGC
TTGAAAAGCGGAGGATCTACTGTTTGTGCAGTCATCTTCTTCATCATTTCTTGGCATCTCTTCTTAGGAGCTGA
GTCCTTATTGCTGGCTGGGTCTGTGAGGAATGCCTACCACACCAAGTACAGATCATCATTGCCTCTCAATAACT
TGTCGTGTGCCATGCTTCGCCGTGGGGTGTTGCCGCTGCAGCGGCTTGACATTTCTGTCATTGGTGTTCATCA
ATCCTTTACTACCCGATGCACTCGAGAGCCGACACCGGAGGCTGGCAAAGCATCAGAATGAAGGCATTGGC
ATGGGGCCTTCTAATTTACCACAACAAGAGCTGCACGAGCGGAGAGCAGAAGAATTCGAAAAGGTTTAGCTA
TAACAGGATTTAATCATTTGATTTTATGCTGGGAAAGACAGGTATAACAAAAATATCAACTTGTGCTAAATTA
TGAATATGTAAAGTGGTAGCTGATCTATATCATATATGTTTTGGTTTTAACCTGTGGACTCCAAGATTCATTGCT
TAGTGAATTTTGGACCATTATCTACACATAAACTCCCAATATATTATTGTTGTTATTATTATTATTATTATTGG
GTATATAAGGTTTGGTATGCTTTTAGTTTGTTTATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1326 NM_111232|Arabidopsis thaliana phagocytosis and cell motility protein ELMO1-
related (AT3G03610) mRNA, complete cds

AGGACAAGTTCGAGCGCGAGTCCGATGCAATTATCTCCCTTTCTTCTTATTTAATTCCAATTCAATTGACTTCG
ACTCCCATGTTAAGCAACGCAATTTGGTATAAATTTGGGCGTTTCGGAGGATTTCTTTTTATCCTACATTCTCCG
CTTTCCAATTTTTGATTGATTCGTTCAGTTTCTCCTCCTATCCCACTTTTCAGGTAGCACAGAGGTTGTTATAAG
AAGTTATTTAATGACTTCAAAAACCTTTGAGGAGGAGGCTCCATCATGGTGATGTTGATGGGAAAAGGAACGA
AAAGTATGATACTTCTGGCTTTGAAGGTTTGAGTGAGCCTCTGCTTGGCAGCCATGAGTATAGTGATAGAAGC
TCGGAGGTACGCACGCTTGAAGAGATTTGGGACGATGAGCGCAAGAAGCAACAGTTACACTGGACACTTCTG
TTTTCTCAGTTGATTGCACAATGGGCTCAGTGGATAGCAAACATTGTCTTCGGCTCTGGAGCACTCTTGGTCG
ACTTTTGCCATTTTCTTTGAGCATGCACAATGGACAAAACCATAGGGTGGCTCCACCTCTTAGTCTTTTACAGG
AAGAAAGACTCAGGAACCTAAAGCAAAGGCTGGAAGTTCCTTTGATGGATCTCGCATTGAACACCAAGATG
CTCTGAAAAGGTTATGGAGGTTGGCATATCCAGACAGAGAGCTTCCACCTCCTAAATCTGAGCTCTGGAAGGA
CATGGGTTGGCAAGGTACCGATCCTTCAACAGATTTTAGAGGTGGTGGATTTGTTTCACTGGAAAATCTCATA
TTCTTTGCCAGACATATCCGGAGTCATTCCGCAGATTGTTGTATAAGAAGGATGGTAAGAGAGCAGAGTGG
GAATATCCGTTTGCTGTTGCTGGCATTAAACATTTGTTTATGTTGGTGCAAATGTTAGATCTCCAATCAGGGAA
GCCAAGTTCATTGGCAGGGATTGTTTTCTAAAACCTTCTAGAGCACGACGAGATGGCATTGATAACCTCTTCT
GTGTACCCTTCCCATGATGGACGCTCAATGGCTTGCAAGGCGCGCTTCCTATATGGATTTCAATG

>trans_s_1327 NM_129570|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT2G40120) mRNA,
complete cds

CTTAGATGAAATCAAACCTTCTAAAGCTTGTCACAAACATGACCCTGCAGATCAGTGCCACATTTTACGGCTTT
ATGACTACTTTTATCATCAGGAACATCTCTTCATTGTTTGCAGCTACTCCGAGCAAACCTTGATGAATTTCAAA
AGTTCAATCAAGAATCTGGTGGAGATGATTATTTTACATTCTGTAGGTTGCAGGTTATTACACGCCAATGTTTG
GAGGCATTGGAGTTCTTGTCATCATTTAGGAATCATTCCTGTGATCTAAAGCCAGAAAACATTCTTATTAAGG
TTACAAACGGTGTGAGATTAAGGTTATTGACCTTGAAGCAGTTGCTTTCAATCAGATAACTTGTGCCTATACG
TTCAGTCACGATCATATAGAGCTCCCGAAGTAATGCTTGGTCTCCCATACGATCCAAAGATTGATTTGTGGTCC
CTCGTTGTATATTAGCTGAGCTATGGTCCGGAGAAGCATTGTTTCCGAACGACGCAGTTGTAATGATCCTTG
CACGCATGATTGGATTTTTCGGTCCCATCGACCTGGAGATGCTCCTTAAAGGACAGGAGACACACAAATACTT
CACTAAAGAATATGATCTGTTTTATATAAATGAGGAACTGATCAAATGGAATTTATCATCCCTGAAGAGTCTT
CCTTGGAGGATCATCTGCAAGTTTTCGACCCGGGGTTCATTGATTTCTTACAAGCTTGCTTGAGATCAATCCA
GAAAGACGACCAACTGCAAAGGAAGCCCTCGCACATCCATGGCTTTCGAGTCGTATGATTAACCATTGTCAT

AAAAAAATTTTGAAAAGTAATTCATTACTCATCAAATAAATTAAGAAAAGTAATAAAAAGAGGGCAAAAGAA
GAAAAAGAAAAAAGAATTGGTTTCTGGTTTGTCTTTTACATACATGATACATGTGTATATGCATGGAGGTTT
TTGCATTTGTATATTTGTGCTTTTGTGAGTATAGATTGAGCCCTCCTTTTTTTTTTCTTTTCTTTGTAAATTT
ATGGAAAGAAAAAGTAGAATTGTTGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1328 AY039530|Arabidopsis thaliana AT5g05990/K18J17_19 mRNA, complete cds

AAACCCATAAACACAAACCCTTCTCCTCCTCTCTCGCTTCCCAAACCAAAAATGGCTCTTGATCCATTATCAG
AAAATCCGCCTCCTCTCTCTGCCCCTTAGCCGGTCGTCTCTTTCGGGGCCAACGACTTTACGCTACTTCTATTTT
CAATTCCTTCAACACCCACCGCCCGCTTTTCCGTCCCTCGGTCACTTCTTTTCGAGATTTTCTCTTCAAATCGC
TCAAGTTCCGATGAGTCTCTCCTTCGAGTCATTGACTCCGAGATCCAATGCGCCACCGAAACTGACGATCACGA
TCGGGTTGAAGAGGTGCCCCAAGGATTCCCATTTGAGATTCAAGATCACCCCGGCTTGCAAAGTGAAGTTTG
AAAAGAACATATCAGGATGAAGTCATTGTTGTTGAAGTTCACATGCCTGATCTAGTTACTGGTCAGAATGCTA
ATGACAATGACGAGGACGACGAGGAGGATGATAGTAAGGCAAATCAGTCTTGTATCCCTTTGGTTGTTAGTG
TCTCTAAGAAAAGTGGGCCTTCCCTAGAGTTTAGTTGCAGCGCTTACCCTGATGAGATTTCCATAGACAGCTTG
GTCGTTAAAAATCCAGAGCATTCTGACGATCAAATTGCCTATGAAGGCCCTGACTTCCATGATTGGATGAGA
ATCTTCAGAAGGCCTTCCACAGGATTTGGAGATTAGAGGTATTAAACCGAGCACAACGAAGTCTTGCATGA
GTACATGATCAACAAAGACAGCAGAGAGTATTTGACGTGGCTGACCAAAGTCAAGAGCTTTGAAGCATAAGA
AGAATAAACTTCTATAGCCAATGAATCAGTCTTCCCCTTTTGTTTTAGAGTGTTAACTATAATTTCTTTCATCTTT
TCGTCCAGAATGAGCGTTTGAGTCATGAAGTATCCGGAGATTATTATTCTGTTACAATTAAGAGGTTTATTT
GTGTTAGATTCAAGTAGTATGCGTCATTGGCAAGCATTTTGTATCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1329 L31645|Helianthus annuus ribosomal protein S3a mRNA, complete cds

ACAGCCGTTTCTCTCTCGCTGGTTTTTTCATCCTCTGGAGCTGCTACAAGCTTCTCAACTACTTCACAACCATGGC
TGTCGGCAAAAACAAGAGGATTTCCAAGGGAAAGAAGGGTGGCAAGAAGAAGACTGTGACCCATTTGCAA
AGAAGGATTGGTATGATATCAAGGCACCTCTGTGTTCACTGTCAAGAACGTTGGAAAGACTCTTGTTACCCG
TACTCAGGGTACCAAGATTGCTTCTGAAGGGCTAAACATAGAGTGTTTGAGGTATCACTGGCCGATCTTCAG
GAAGATGAAGAGCACGCCTACAGAAAGATTAGATTGAGAGCTGAAGATGTTCAAGGAAGAAATGTTCTGACT
AATTTCTGGGGAATGAATTTCACTACAGACAAATTAAGGTCATTGGTAAGGAAGTGGCATAAGTTGATTGAAG
CCCATGTGGATGTTAAGACCACAGACAATTACACTCTGAGGATGTTTTGCATTGGGTTTACAAAGAGACGTCC
AAATCAAGTCAAAAGGACCTGCTATGCGCAATCCAGTCAGATCAGACAGATTCGTCGGAAGATGAGGGAGAT
AATGGTCAACCAAGCAACATCATGCGATCTGAAAGAGTTGGTCCGGAAGTTCATTCTGAATCAATTGGAAAG
GATATCGAGAAGGCTACATCTAGCATATACCCTCTACAGAATGTTTTATCCGGAAGGTCAAGATCTTGAAAG
CTCCCAAGTTTGATCTCGGAAAGTTAATGGAGGTTGATGGTGATTATTCGGAAGATGTTGGCGTCAAGGTAGA
CAGGCCTGCCGAAGAAGCCGTTGAAGGTGCTACCGAAATTGTCGGTGCTTGAAAATGGAATCAGGAAACAAC
TTTTCTTATATTTACGAATGAACTCTGGCTTTTAAATTTTTTAAATTTTCTTTTAGTTATAGCTTGTTATGTTCT
GCCAAGTTGAGAAATCAGAGATATTCAGCGATTTTGACTATGAAAATACTTGCCGCTTTTATGTTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1330 DQ672569|Capsicum annuum CCR4 associated factor 1-related protein (CAF1)
mRNA, complete cds

AATCTCTCCTCTCTTCTTCTTTTACATCCGTATTCCTTCAATTCTCTCACTACTTCAATTCTACTTCTTCTTT
TTTTTCTTTTTTAAAAAACAATATACTTAATTTAAATTTTATCATATTAGCCATGCTTATCC
ACGATCTCAACATCAACCACCAATCCATCCACAAACCCATCCAAATTCGTGAAGTTTGGGCTTCCAATCTCGAT

TCCGAATTCGTTTGATCAGCGATCTCATCGATCGATTCCCTTGCGTTTCAATGGACACGGAGTCCCCGGAGT
CATCTTCCCCCAACAAACCAACCCAAATTTCAAATCACCCCTCCTATCACTACCAATTCCTCAAATCCAACGT
CGACGTCTCCATCTCATCCAGATCGGAATCACTCTCTCCGATTCCGACGGAACTTGCCGGATCTGGGAACCG
GCGACACCCGATTTATCTGGGAGTTCAACTTTAAGGACTTTGACGTGGCGCGTGACCCCCACGCTCCGGACTC
CATCGAGCTTCTCCGCCGTCAAGGCATCGACTTCGAGAGGAACCGAGAGGAAGGGATCGATTTCGTACGCTT
CGCGGAGTTGATGATGTCATCGGGACTCGTCTGTAACGAGTCAGTGAGTTGGGTGACGTTTCACAGTGCCTAT
GATTTTGGGTATTTGTGGCCATTTTAACCCAGCAAAAGCTTCCGAAAGGGTTAGAAGAATTCCTCGGCGTCG
TTAGGGTTTTCTTCGGGGATAACGTGTACGATATGAAGTACATGATGCGGTTCTGCCAGAGTCTATACGGGGG
TTTGGACCGGATAGCGAAAACTATGAATGTGAACCGGGCGGTGGGAAAGTGCCATCAAGCCGGGTCAGATA
GCTTGCTGACGTGGCATGCCTTCAAAGATGAGAGATACTTTTTTTGTAGAGAATGAAATGCACAAACATGC
TGGGGTTTTGTACGGTTTAGAGGTCTTCTAATCTAAATCTAAAAATGTACCGTAAATAAATTTAATTTTAAAT
ATATACCATATATTATTTGTTTTCTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1331 AY050901|Arabidopsis thaliana At4g00170 mRNA sequence

AAAATCAGTTTTGTGTCTGTTGCTGCTTCCGAAATTTCTCTGGTCCCTCTTTTTGTTTTGGGAATTTATAGATCC
ATGATAATTTTTTTCATTATTCTGATCGAGTGTTTGGGTGGATTTTGAATCTGCTGGGATCAAGGGCGACAAAA
ATGAATACTGGGGATTATATCAATATTCAACCCTCCGAGCTCAAATTCCTTTGAATTGAGGAAGCAAAGTTC
TTGTTCTTGCAATTGACCAACAAAACGGACAAATATGTTGCCTTCAAGGTCAAACACCAATCCTAAGAAGT
ACTGCGTTCGTCCTAATGCTGGAATTATTTGCCTAGTAGTGCAAGCAATATTACAGTTACCATGCAAGCTCCT
AAGGAGGCGCCTCCTGATATGCAGTGCAAGGATAAGTTCTTAATTCAAAGTGTTGTAGCACCAGATGGTACAA
CATCAAAGGACATTAGTGCAGAATTGTTTAACAAGGGAGATGGTAAGGTAGTTGATGAATTTAAGATGAGGG
TTGTTTACATTTTGCAAATCCTCCGTCGCCTGTCCAGAAGGATCTGAAGAAGGATCTCCTCCAAGGACCACT
GGAGTTGATGATGGAAACCAAAATTTTGCTTTATTTGATGCCGTTTCAAGATCTCTGGAGGAGCCTAAAGAGA
AATCATCACAGGCATGGTCTAACGTTTCTAAGTTGACCGAGGAGAAAGATGCTGCTCTACTAAAGAATCACAA
ACTACGCCAGGAGCTGGAACCTCTGAGGAAAGAAGCAAGCGGAAGGCAGGGTGGCGGTTTTCTCTGTATTGTT
CGTGGTGCTAGTCGGTCTCATCGAGTTCTGATTGGTTACTTGGTGAAGAAAACATAGAAAACCTCAGGCATTC
CCTTTTTTTTTTCTTCTTTTGTTCGATGCATTTTGCTGTTATTATCTGTGTTTTGCCAGAATTAACAACCTAAA
ATGTTTAGTGATCAAAAAGACACCTTTTGATGTTGATCATCGTTCTAGATTGACTCTGGATTGTTTTTTGAGA
AATATTTGTTGAATGGATTCTTTTTAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1332 XM_002314406|Populus trichocarpa histidine phosphotransfer protein, mRNA

AGGGAGACTTTGATTGTCTTTGTTAGAAGAAAAGAAAGATCCTCAAAATTCATCCAATCCAAATCCACTCTCT
TCAAGAACCTGCTTCAACTCTGCTTCTTCTCCACCTCCGCCAATACAAAATAAAACCCACTTCATATTTCTCC
ATTCTTCACTAAAATCCCTGTCTTCAGAACTTCATTTCTAAGATCTCTGTTGTCTCTACTTCAACCCCACTTTTT
TGAATCACACCCTTCTGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTAGCTCGTAATAATGGAGGTAGG
ATTGATGCGAAGACAGTGGATTCAGTATATAGAAGGCTTAATCCATGAGGGTACTCTGGATGGTCAGTATTTG
CAGCTTTTGCAACTGCAAGATGAGAGTAATCCAACCTTTGTTTCTGAAGTGGTGACTCTTTCTTTGAAGATAC
CGAGGAACTTCTCAATAAACTGAGAATCGCTATATCACAGCCACCTGTGGACTTCAAAAAGATTGATGACCAC
GTACACCAGCTGAAGGGCAGCAGTTCCAGCATAGGTGCACTAAGAGTGAAAAATGCCTGTATTGACTTCCGG
AGCGCCTGCGAGCAACAGAGTCCCGACTGGTGTTCAAGATGCCTGCAACAAGTAGAGCAAGAATTCTATGGT
GTGAAGGAGAAGCTCAGTTATCTATATGCACTGGAAAAACGGATTTGAATGCTGGTGGATCCATTCGCCGAG
ACTTGAGTTTCTAACTGACAGAATCCATGGAAACCAAGATTTCCGTTCTGTTCTGTGGAGTCTTCTTCTTTT
GTTCCCTAGGTTCTTAAATTGACTGTTACTTGTGCTGTACAAATTCAAAACCTTTGCCTTTTCACTCAGAACG
TCATTGTTTTCTACAGCTGATTCGACTTCAATTCTCGGGTCTGTTAAGCTGAAGTGTGTTTATTGCATAGAG

TCCTAGAAGATTTTCTGGGTGCTTTCAAAGAGGCAAATACTCTCTTAGTCTCTTATATATCTTTGTTCCCTTCGT
ATTCTGCTAATCGAAGCATCCTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1333 AF528526|Glycine max 40S ribosomal S4 protein mRNA, complete cds

ACCTCTCTCTTAAGCTCTACGTCTCTGCGGCCGGCGGCAATCTCCTCTGCCCTCTGGAACCTTCTGTTTCGACA
ACATGGCTAGAGGTTTGAAGAAACACTTAAAGAGGCTTAATGCTCCCAAGCATTGGATGCTCGACAAACTTGG
TGGTGCATTTGCTCCCAAACCTTCATCAGGACCTCATAATCAAGAGAATGTCTCCCATTAATCCTTATATTGCG
AAACCGGTTGAAATATGCTCTTACATACCGTGAGGTTATTGCAATTTTGATGCAACGCCATGTTTTAGTTGATG
CCAAGGTCAGGACTGATAAGACCTATCCGGCTGGCTTCATGGATGTTGTGTCCATTCCTCAAAACAAGCGAGAA
TTTCCGGCTTCTATACGACACAAAAGGTCGTTTCCGTCTTCACTCAATCAGGGATGAAGAGGCTAAGTTCAAGC
TCTGTAAGGTTTCGCTCAGTGCAATTTGGGCAGAAGGGAATCCCTTATCTTAACACTTATGATGGGCGTACAATT
CGTTACCCCGACCCCTCATCAAAGCAAACGACACCATCAAGTTAGACCTTGAGTCAAAACAAATTGCTGATTT
CATCAAGTTTCGATGTAGGAAATGTTGTGATGGTGACAGGAGGGAGAAACAGAGGGCGAGTGGGAGTAATTA
AGAACAGAGAGAAGCACAAGGGAAGCTTTGAGACAATTCACATACAGGATGCAACTGGGCATGAATTTGCCA
CTCGACTTGGCAATGTGTTTACAATTGGGAAGGGGACGAAGCCATGGGTGTCCCTCCCAAGGGGAAGGGTA
TCAAACATAACCATCATTGAAGAAGCCAGGAAGAGGCTTGCTAGCCAAGCAGCAGTTACTGCTTAAGAGTTTTG
AGTTAATACTAAATTGTAGTCATGAGTAATCCTTTTTGATAGACAAATATCTTTCTCGAATTTTGCTCTCTTATTA
TTTATGGCTAAGTTTGTCTTGTGAGACAATTTATTTGTCCATAGATTTTGAGGAGGCCATTTGCTTCTGTGATT
TTGCTGTAAAGAGAAACGCTGTTAGCTTATTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1334 NM_201892|Arabidopsis thaliana ATTIM17-2; P-P-bond-hydrolysis-driven protein
transmembrane transporter/ protein transporter (ATTIM17-2) mRNA, complete cds

AAGGCTATTAACTCTCTTCAAAAACCTATGTTAGAATTTGGCGGTGGCCAGTGAACGCATCAAAAGAGAAAA
ACCCTAACTGATTGTATCGACGCTATGGGAACGCCGGAACTTCCAGGGAACCTTGCCCCGATCGTATTCTC
GATGATATAGGCGGCGCTTTCGGCATGGGAGCTGTGGTGTTTCAGCTTTTCACTTTATTAAGGTCTTTACA
ATTCTCCCAAGGGATCCAGGATTATCGGCGGTACTCAGGCTGTCCGAATGAATGCGCCGCGCGTGGTGAA
GCTTCGCGGTTTGGGGTGGTTTATTCTCTGCTTTCGATTGTACCATGGTCTATGTCCGCCAGAAGGAGGATCCA
TGGAATTCAATTATCGCTGGCGCCGCTACCGGAGGTTTTCTTCAGATGCGACAGGGACCTGCATCGGCAGCTC
GTTTCGGCGTTGTTTGGCGGCGTTCTGTTGGCTTTGATTGAAGGAGCTGGAATTATGCTCAACAAAGTTCTGAG
CCAGCAACAGAATATGCCTGTTGTGATTGAGGAGCCTGCTGGTATGGGTGGTGTGCCTGGGTATCCTACAGG
CCAGCTACCTGGCCGTGCTCCTCCCATGTCTCTGCCACAAGCTGAATTAGCAAGTATTTCTTCTTCTTCTTCT
TCTTCAGATTCTGGTAATGGCTCGTGGTTCGGAGGTTGGTTTGGCGGAGGTAAGAAGAAGGAATCAGAAGTA
TCGAGTGGAGGAAGCGAGACGACGATTTTGGAGAGCTTCGATGCACCGCCTGTGCCAAATTTTGAGTTCAAG
TAAAATATTTTATCTGGGGTTTTAAGGCTTGTAAGCTGAGATTTTATATAAGTAGACAATAAATTCAATT
GTAGAATGTATGGTGTGTGTTATAGCCTTATAGGTTACTCCTAATTAACGATTATCGTGCAATCAGCTGACATT
GTTCTAAAGTTATCAAATTATCATTTGGGTTATGCTGAATTGTACAATAAGCTTGTAGGCTTTATTGTTGGTATT
ATTTTCTGTTGTAAATAAATTACCACTTTATGGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1335 Z73932|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB1C

AGTTTTGCAATCTTTTATTTCCATCTTCTTCTCCCTATATTTCACTTCTTTACTCTCTTCTCCTTCATCTCTCG
TTCTCGCCCTGTGGATCGTCCGCCGCTGAATTCTCTTGACCGGTTCAACTCCGTTGAGTCCCCCAACCC
CATTCTAGATCAACATTTGCGCAACAATCATGAATCCCGAGTATGACTATTTGTTCAAACCTTGTCTATTGGAG
ACTCTGGAGTTGGGAAATCATGTCTTCTGTTGAGATTTGCTGATGACTCATACCTGGATAGTTACATTAGTACC
ATTGGAGTTGATTTTAAAATACGCACTGTGGAACAGGATGGAAAGACCATTAACTTCAAATCTGGGATACTG

CAGGACAGGAGCGTTTTAGGACCATCACTAGTAGCTACTACCGTGGGGCACATGGCATAATTATTGTTTATGA
TGTCACAGACCAGGAAAGTTTTGAAAATGTCAAGCAATGGTTAAACGAAATTGACCGTTATGCAAGTGAAAAC
GTAAACAAGCTTCTAGTTGGCAATAAGTGTGACCTCCCAAATAGAGCAGTGTCTACGAATCAGCAAAGGCTT
TTGCTGATGAGGTCGGGATCCCATTTATGGAGACAAGTGCAAAAGATGCTACCAATGTAGAGCAGGCATTTAT
GGCCATGACTGCTGACATTAATAAATAGGATGGCAAGTCAGCCTGCAACAATGCGAGGCCACCGACGGTGCA
GCTACAGGGACAACCCGTTAACCAGAAGGGTGGATGCTGCTCCTCTTAGTTGGTTCTTTCTTATATTCTGTATG
CATTATGCGCAAATATCAAAGTTGCATTGAATCTCTTTCTCTATAAAGTATATCTGATATCCCATTCAATTCAA
GTAGACCTTGAAGTATTACTCTACACCTTTCTGTATTACTGAAGCAGTAGTGTTCCTTTTTCTTTTCTTTTCCA
ATACTTGTTTTGAGTTTATGTGTAGCGAACTTTCAAAAAGTATAGTTCAAAGTCATCTCTCAGGTTATTTGCCTC
ATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1336 FJ708743|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

TGCCGTGCCCCTGTTCCAGCTGAAGTTCCTCCCTTGAAGCCTCTCACTAAAAATAAAATTACCTCAACTTTTGC
GAAACCTTTTACCATTGCATCCCTTCAGCAATATACAAACAGCTTTTACAAGATAATCTTCTAGGAGAAGGAA
TGCTGGGCAATGTTTATAGGGCACACCTCCCCAGTGGGAAGGTAAGTGGCCGTCAAGAACTGGATAAGAGAG
CATCCAGTCAGCAAAAGGATGATGAGTTTCTCGAGCTAGTCAATAATATTGATAGAATCCGACATGCTAATGT
GGTTGAGCTCTGTGGTTACTGCGCAGAGCATGGTGAAAGGCTTCTTATCTTTGAGTATTGCAGTGGTGGAACA
TTGCAGGATGCACTGCACTCAGACGAAGAGTTTCAGAAAGAAGCTTTTCATGGAATGCCCCGATTAGAATGGCT
CTTGGGGCTGCAAGAGCCTTGAGTATCTGCATGAGGTCTGTGAGCCACCTGTTATTCATAGAACTTCAAGT
CTGCGAATGTCTACTGGATGATGATCTTTCAGTGCCTGTTTCAGATTGTGGGCTGGCTCCACTAATATCAAAA
GGAGCTGTTAGTCAGCTCTCTGGTCAGCTTCTAACTGCATATGGTTATGGAGCTCCAGAATTTGAATCAGGTG
TTTATACACTTGAGAGTGATGTTTACAGCTTTGGTGTGGTTATGCTGGAAGTTCTAACTGGCCGGATGTCTTAC
GACAGAACAAGGACCCGAGGTGAGCAGTTTCTAGTTAGATGGGCAATTCGCAGCTTCACGACATAGAGGCA
TTGACAAGCATGGTTGATCCTTCACTCAATGGTCGATACCCTGCCAAATCCTTGTCGTACTTTGCCGATATCATA
TCAAAATGTGTTTCAGTCCGAGCCTGAATTCGGGCCACCAATGTCGTCGGTTGTTTCAGGACTTGCTCAACATGAT
AAGGAGAGAACCACAAGGCAGTGGTTCAAGTGAAGATTGATATGGTTTTTGCTTAGAGTTAACCAATCCATTC
AGCTAAGAAGCAAAATAACTTCTGAAAAATTTGCCATATTTCTCGTAAAAGACGATGCAAAGTGCA

>trans_s_1337 GU564350|Vernicia fordii delta-8 sphingolipid desaturase mRNA, complete cds

TCAAATTTTGTCTGGAAATTGTTTGACGGGGATTAGTATAGCCTGGTGGAAATGGACTCATAATGCTCATCAC
ATCTCTTGCAATAGTCTTGACCATGATCCAGATCTTCAACACATCCCTGTTTTTGCTGTTTCTGCTACTTTCTCC
GGACTTTGACATCTCATTTCTATGGTAGGAAGTTGAAGTTTGATTCTTGGCTAGATTCTTTGTTAGTTACCAGC
ATTTACATTTTACCCTGTGATGTGTGTGGCTAGAGTGAATCTCTTTGTGCAGACATTGTTGCTCTTATTTTCCA
CTAGAAAAGTCCCTGATAGAGCATTGAACATAATGGGGATTCTTGTTGTTTGGACATGGTTTCCTCTCTAGTT
TCCTATCTCCCTAACTGGCCTGAGAGAGTCATGTTTGTCTTGCAAGTTTTGCTGTATGTTCTCTACAGCACATC
CAATTCTGCCTCAACCATTTCTCTGCTAATGTTTATGTTGGGAAGCCCACTGGGAATGATTGGTTCGAGAAGCA
AACAAGTGGGACTTTGGATATCTCTGTTTCATCTTGATGGATTGGTTTTTGGTGGATTGCAATTTAGTTAG
AACATCATTTATTCCCAAGGATGCCAGATGCCAGTTGAGGAAAATCTCTCCAATCGTGGTTCGAACTTTGCAA
GAAACACAATCTCCATACAGAAGCTTGTCATTTTGGGATGCTAATGTCCGCACCATTAGAAGTCTTAGAACAG
CTGCTTTGCAAGCTAGAGACTTGACCAATCCTGTTCTAAGAAGTTGCTCTGGGAAGCCGTGAACACTCATGG
ATGAAGATGAAGTTGAAGATGAGGTCAGATCCTTCATAGTTCTTATCTAGACTTCTCAAGAACGGCAGCAGGT
TCTTTTTTTAATTTTTTTTCTCCTCCCTTTTGTGTTTATTTTTGATGGGCTTACTGTTATTTTTCATATTATGGGC

CTCTTAGGATATGTTTGAACCTCTGCTTAAACATTACACTCAGCTTCCTCTTGTTGGTTCTTTTATTTGATTACCG
TAAATTTGCCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1338 AY104572|Zea mays PCO087857 mRNA sequence

GCCTTCCTTCCTTCGTATAACCAAACGAAACAACGCGAAGACCAGAAATCCAGCTCTATCTTGCGCGCGCTCG
GTTCTTCCTTCTCTGAAGCGATGAGTCTCTTCGGTCTAGGCAGAAATCAAAGGACTTTTCGCCCCAAGAAGAGT
GCACCATCGGGGAGTAAGGGGGCTCAACTCAGAAAGCATATTGATGCCACACTCGGTAGTGGAATTTAAGG
GAAGCAGTGAGACTTCCAACCTGGGAGGATTTGAATGAATGGCTGGCTGTCAATACTGTGGATTTCTCAACC
AGGTGAATTTGCTATATGGTACCCTCACAGAGTTCTGTACTCCTGAGAATTGTCCTACAATGACTGCAGGACCC
AAGTACGAGTATAGGTGGGCTGATGGTGTACAAATCAAAAAGCCCATTGAGGTCTCTGCTCCAAAATATGTTG
AATATTTAATGGATTGGATCGAATCCCAGCTTGATGATGAGTCGATATTCCCTCAAAAGCTTGGCACACCATT
CCTCCCAACTTCAAGGATGTCGTGAAGACGATATTCAAAAGGTTGTTCCGTGTATATGCCACATTTATCATTC
TCACTTTCAGAAAATTGTGAGCCTTAAGGAGGAGGCACATTTAAATACATGCTTCAAGCATTTCACTTTTTTA
CTCATGAATTTGGTTTAATTGACAAAAAGGAGCTGGCTCCACTTCAAGAGCTGATCGAATCCATTATTGTTCCA
TACTGAACAGGGTTTGGCATAACTGGACAAAAAAGAGAAAAAAGGAGATCCTATTCTATTCTAGGAACACAA
CTAATTAATAATCAATTGGTTTCTGAATTTTAAATGTAATATTTATATGTTGTCTTGTCTGTGTACATGGTT
CTGTGTTTGGATATTTTCTAAGGGTGTGGAACTGCTCCCTACTCTTCCCATGAACCAAGCTGATTTAAAGAA
AACCAGCTTCTTGATTCAAAGGGAATGAAGTTGGAACGCTTGTTAGTTTCATGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1339 NM_001050300|Oryza sativa Japonica Group Os01g0658700 (Os01g0658700)
mRNA, complete cds

CTTTTGAATGGATCATTCTGGGGAAGCCAGTAACCAGAAACCAGCAGTTGAAGTTGCCAAAGACAAGAAT
GGGGTAGAACAAGTGCTGCTTCGGAACCTCTGAGGAGCTTCAGCAAGGGTTAGCTTGCATGGAGGCCAAGTT
CTGTCTTGAAAACTGAAAAAGGTGAAGAATTATTGTTTACCAGTTCTAAGGCAATTTTAAGCCACCAAAAG
CTGTGAGAGGAGGAATTCCAATTTGTTTTCCGCAGTTTGGGGCTCGTGGAACCTTGAGGAGCACGGGTTTG
CTCGTAACAAGATTTGAAAAATCGATGATAATCCTCCTCTTAACCGAGGTGAAATCAAGGACAAATCCTG
CATCGATTTGCTTCTTAAACCTTCTGAAGATGATCTGAAAATATGGCCACATAGTTTTGAATTCAGACTGAAGG
TCTGTTTGGCAGCAGATGGGAATCTCATATTAATATCACGAATTCGGAATATCAATTGCAAGCCTTTCAGTTTC
TCAATTGCATTCCACACATATTTCTCCATTTCTGATATCAGTGAAGTAAGAGTTGAGGGGCTTGAGGTTCTCGA
CTATCTCGACAACCTTACATGATAAACACGTTTCACTGAGCAAGGAGATGCCTTAACATTTGAATCAGAGATTG
ATCGAGTTTATCTTAGTTCTTCAGATCTCATCGCGGTGCTTGATCATGAGCGAAAGCGCACTTTTGTTGTGAGA
AAGGAAGGACTTCCAGATGTTGTGGTGTGGAATCCATGGGAGAAGAAAGCAAAATCGATTGTTGATCTGGG
GGATGAAGATTACAAACAGATGCTTTGTGTTGATGGAGCTGCAATTGAGAAACCTATTACCTTGAAACCAGGT
GAGGAATGGACTGGCCACTTAGAACTATCCGTCATCCCTCAAGTTAATGACATGTATGTTCTCTAAAGAAG
AAGGATCGAACATGGTCGGGATTCAGATAAAGCCATTGAAGTTTATAAATGGGGTATATGGTAAGTATTTTTG
TGTTTTGTTCTAACCAATTGTTGTCAAGAGTAAATAACTGAGAACAATCAAGCTAGTTTGATTTGATGT

>trans_s_1340 NM_129819|Arabidopsis thaliana TTL3 (TETRATRICOPETIDE-REPEAT THIOREDOXIN-
LIKE 3); binding / protein binding (TTL3) mRNA, complete cds

GCCATGGTTGAGATGGCACTGGGAAGGTTTGATAATGTAGTTCTGGCAGCTGAGAGAGCGGGCAAGATTGA
CTTTAATAATCTTGAAGTTGCAACCTGTTGAGCACTGTGAAAATGGTAGCAAGAGCTCGTTCTAGAGGTTTT
GATCTTTTTAGCTCTGGTAGATATACAGAAGCCTGCACAGCATATGGAGAGGGCCTCAAGTATGATAGTTCAA
ACCACGTTCTTTACTGCAATCGAGCCGTGTGTTGGGCCAAGATTGGACTTTGGGAACAATCTGTTTCAGGACTG

CAATCAAGCCCTCAATATTCAACCGAACTACACGAAGGCCCTTCTTCGCAGAGCCGCTTCAAATGCAAAGCTTG
AAAGATGGGAAGATGCTGTGAAAGATCTAGAGGTTTTAAGGAGAGAACTTCCTGGAGACCATGAGGTTGCTG
AATCTCTGCATCAAGCACAGGTTGCATTGAAGAGATCTCGTGGAGAGGTAGTTGATCATAGAACCGTAAAGTG
GTGAAGTAGAGGAAGTTTCTACTCTTGATAAACTGAAGGCTGCAATTCGTCAACCGGTGTTTCCGTGGTTCA
TTTCAAAGTTGCAAACAATATATGCGACGAAACATCTGCATTCTGTAATATGCTATGCATACGCTACCCCTCTG
TTAAGTTTATAAAGGTGGATGTGGAGGAGAGCATGACCTTAGCGAAGGCTGAAGGCATAAAAAACCGTTCAG
CATTCAAATTTACAAGAATGGAGAGAAGTTGATCGAAATGATCCGACCAAGCCACCATTTTTTGGAGGACTC
AGTGAGAAGTTGTATTCTTCAACAAACACTGCCAGCACTGTCTCATGGTTCAAACCTCTACAACATTTGAATGG
GAACTTTTATCATACAGAAAAAGCTAGTAATTTACCTGTAAACATAATCAACTACATAATTGTTTCCTANGATT
TAGGCAGAGGAACCTCAGAGACTAAAAGTTTCTACTTCACATTTGCGGAAAATTATTTCTTTCATTTGTAAT
ATTTTCAGCATATTCTTCTTATTGAATCCCATTTTATTTTGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1341 NM_115944|Arabidopsis thaliana zinc finger (DHC type) family protein
(AT3G60800) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGAAAAAAATACAATAAACTGAAAAGAAAAAAGGAAATAATTTATTT
TCCTATTTTTTTCTTCACTTTTCGCCGGGAATCCAGACCCCATCATCTCATCTTCTTCTGTCTAAATTCCGA
GAAAACGATACGCTAAATTCGATCCCTTCCCTTCGCTCTTAAATTTGTAGTCTCCACGAAAGCGAAACACTGA
AAAAACAAAAACAAAAAAACAAAAAAACGAAAAACATCGAAATCTTCCGATTTTCCACTAATTTTCAATTTCCC
TTTTGTTTTTCCCCCATAATCTTGACAACCCAGCTGATTTTTTCGCTACCACTCGGATCACGACGAGGCCTCC
GTCGGATTTTCGCCGCCGGAACCGGCTGCGTTTCGGCTTCGATAAATTTCCGGCGACTTGTTTCGGCTAATTTCC
CCAAGTTATGCATAGATCTGGACCGCCATGGCTTGGAATGTCTTCAAGTTTTGTACGGCCTTGCGAGGTCTT
GGTTCGATCATGATTCTTTTGGTTCTTGGGGTTGTCGGTGTACCTATTACGCCGTCGTTTTGACCAACTACGG
CCCCGCTCTCTACGATGGCGGTCCCGATTCTCTCATTGCTCTTGCCGTTTTGATCTCTTCCATTGTTTGTGGTG
ATGCTGTTATGGAGTTACTTTTCTGTTGTGTTGACTGATCCGGGTAGTGTTCCGCCCAATTGGAGACCTGTTGT
TGATGAAGAACGAGCGGAAGGCGACCCGTTGAATACAATGGAATTTAGCATTTTGCATCCGGAGCTATCAAA
TCAAAGAATACGATATTGTGCGAAATGCAATCACCTGAAAACACCACGCTGCCATCACTGTTCTGTTTGTGGA
CGATGCGTACTGAAGATGGACCATCATTGTGTGTGGGTCGTTAATTGTGGAGGGGCTCTGAATTACAAATACT
TCCTTCTCTTCTGCTGTACACATTTCTAGAGACGAGTGTTGTGACACTGTCTTGTGGCACACTTTATTGCATT
CTTTAGTGAAGGAGAGATACCTGGAACACCCAGTACACTTGCTACGACCT

>trans_s_1342 XM_002882617|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata anion-transporting ATPase family
protein, mRNA

ATTTACCGCCACTCTATTCTCTTTTTCTGTTTGATTATATATCCATTTTTTTTTTGTAGCTGCTTGGATTTTGA
TTGATAATTTGTAATTACTACTTGCGCTCAAACTATCGTTTGAATATGCGGAATTTGAAGTTCAATGTCGAT
TTTTGGTAGTGAATAACTTTTCATTTTGTCTATAAAGCAGTTAGATCAGTGGCTACCCCTGCGGAAGGTGTTGC
AGGGTTTGAGAGTATGATCTCTGGAACCGAGCGGAAGTATTACCTATTAGGTGGGAAAGGAGGTGTTGGGA
AGACAAGTTCTGCTGCCGCTCTAGCTGTAAAGTTTGCAAATAGCGGCCACCCACGCTTGTTGTGTCTACGGAT
CCAGCACATTCGTTAAGTGATTCATTTGCTCAGCATTTGACTGGCGGTACACTGGTACCAGTTGAAGGTCCAG
ACTCTCCATTGTTTGCCCTTGAGATAAACCTGAGAAGGCTAGGGATGAATTCCGCAGTACTGCTCAGAAAAA
TGGTGGAACTGGCGTAAAGATTTCTGTGGATGGCATGGGCCTTGGAATGCTTGTAGACCAGTTAGGAGAGTT
GAAACTCGGAGAATTGCTGGACACACCGCCTCTGGTTTAGATGAAGCTATAGCAATTGCAAAGGTCATCCAA
TTTCTTGAGTCTCCAGAGTATAACATGTTCACTCGCATAGTTCTTGACACAGCACCTACGGGTCATACTTTGAT
GCTTCTATCCCTCCAGACTTCTTAGATGCTTCCATAGGCAAGATATTGAAGCTTAGACAAAAAATAGCTTCAG
CAACCTCAGCCATTAAATCTGTATTTGGGCAAGAAGAAAAGCGGCAGGATGCAGCTGACAAGTTAGAGAGAT

>trans_s_1343 XM_002892918|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphoric monoester hydrolase, mRNA

>trans_s_1344 NM_121190|Arabidopsis thaliana ASP3 (ASPARTATE AMINOTRANSFERASE 3); L-aspartate:2-oxoglutarate aminotransferase (ASP3) mRNA, complete cds

>trans_s_1345 AF193791|Fragaria x ananassa pyruvate decarboxylase (PDC) mRNA, complete cds

CATCACTCAAAAACCACCATTCTTCTTCTCCTACCTTTTTCTCTCTTCCAAAAACCACTCCCAATTCCTCCAACCTCA
TTCCTTCAATGGACACCAAAATCGGATCACTCGACACTTGCAAACCCCAAAACAACGTCGTTTGTTGCCCATCC
AACGGCTCTGTTTGACCATCCAAAACCTCCGTTGTTCCCTCCACCGTCGTAACTCCTCCGACGCCACCCCTTGGC

CGCCACCTTGCTCGCCGTCTTGTTCAAATCGGCGTCACCGATGTCTTCACCGTCCCCGGCGATTTTAACCTCAC
GCTTCTTGATCATTTAATTGCGGAGCCTGCGCTTAATAACATCGGCTGCTGTAACGAGCTTAATGCTGGATATG
CCGCTGATGGCTACGCTAGGTCCCGCGGTGTTGGTGCGTGTGTTGTCACGTTTACCGTCGGTGGTCTTTCTGTT
CTGAATGCCATTGCCGGTGCTTATAGTGAGAACTTGCCGCTCATTTGTATCGTTGGTGGCCCTAACTCCAACGA
TTATGGAATAACAGAATCCTTCATCATACAATTGGCCTCCCTGATTTACGCCAAGAACTCCGATGCTTTCAAA
CCGTTACTTGCTTTAGGCTGTTGTGAATAATCTTGAAGATGCTCACGAATTGATTGATACTGCCATTTCTACTG
CCTTGAAAGAAAGCAAGCCTGTTTATATTAGTATTAGTTGTAATTTGCCTGGGATTCTCATCCTACTTTAGCC
GCGATCCAGTTCCTTTTCACTTTCTCCAAAGTGAGCAATCCACATGGGCTAGAGGCAGCAGTGGAAGCAGC
AGCACATTTCTTGAACAAGGCTGTGAAGCCAGTGCTTGTTGGTGGGCCCAAATGCGAGTTGCAAAGGCTTGT
GATGCATTTGTTGAGCTTGCTGATGCTTGTTGGCTATGCCTTGGCTGTAATGCCATCGGCGAAAGGCCTGGTAC
CTGAGCACCATCCTCATTTCACTTGAAGCTTACTGGGGTGCTGTCAGTACTGCCTTCTGTGCCGAGATCGTCGAA
TCTGCTGATGCATACTTGTTGCTGGGCCGATTTTCAATGATTACAGCTCTG

>trans_s_1346 NM_119128|Arabidopsis thaliana CFIM-25 (CFIM-25) mRNA, complete cds

AGAGTGAGTGACGCCATTCCACTTCTTCGCTTCGTGTCCCTTCTCTCCATCCAACACGGCACCTTACTTCTTCTTC
ATACTTCTACTTCCACCTTACCTATATTCCCTTTGATTCTCCTTCTGACCTTCTTTTCTCAGTCCCCGCCATGGG
AGACGACGGGCGTCTGCATGCTATTGACGACGACGACGACGATGCTTCTTCGCCCCACCAACTCTCTTACATC
GATATCTATCCTCTCAGCAACTACTACTTTGGATCCAAAGAGCCTCTTCTTTCAAGGACGAGACCTTGTCTGAT
CGTATCCTCAGGATGAAATCCAATTATGCTGCTTACGGATTGAGGACTTGCGTCGAAGCAGTTATGCTGGTTG
AACTATTCAAGCATCCTCATTTATTGCTGTTTCAAATACGTAATTCAATTTTCAAGCTTCCTGGTGGTCGCCTAA
GGCCCAACGAATCAGATATTGATGGCTTGACACGAAAGTTGTCGAAGAAGCTTTGTGCCAATGGAGCCTCTG
ATGCATCTGATTGGGAGGTTAACGAGTGCCTCGGTATGTGGTGGAGGCCTGACTTTGAGACCTTGCTCTTTCC
GTATTTGTCCACTAATGTAAAGGGGCGAAGGAGTGCGCTAACTTTTCTTGGTCAAGTTGCCGGAGAGTA
AAATTTGTTGTGCCAAAGAACCTCAAGTTGATCGCAGTTCCTTTATGCCAAATTCACGAAAACCATAGACATA
TGGACCGGTTATATCAGGCATTCCGCAGCTTCTTTCTAAGTTCTCCTTCAACATCATCGGAACATAAGACTCAC
ATCTTATTAATTAACAGATGAAGAACTATGGTCGGAGAAAAAATATTTATTAGTGCATTATAGAGCTGTC
AGCTAACTTTATATGAATGTTGACAGACCCTTGATAAAACATATTATAATCACACAAACATATATGTTGATGA
TTTTGTAAGTATAGAGATATATATAGTAGTAATATAGGTCCACATTGTGACTTTACAACCTGTGTGTTAAATGA
GTGCTAAAAACTACATATGATTGTGTAAAAA

>trans_s_1347 GU984009|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY4) mRNA, complete cds

TTCTTTCTCTCACCTAATCTATTCCTTTCTGTGTCACTAAGACGCAGACTCCGATAACTCGATTCGGAATCGGC
TTTGATTCCGACACTATAAAAGAAGTTTGCAACAGTTAGTGGTGAGGTTACTTCTTTTCGGGGAGGAGAATCG
GCCATGACGGAGCCGGAAGCTTTGGAAGTACCAACTCGGAAGTTCCAAGGCGGCTATTGAAGGGCAGGA
AGATGATGAAGAAGAAATGGAAGATTCGGATGATGAACCGGAGTTGGAAGGAGAAGGAGGAGGAAGAGTG
AGTGAGTTGAAGCCGACTGAGTTGAGAACTGGTCCGTGCGTTTGTGAAGCTGTGGTGATGGGTTCACTTTCTG
AAACCTAACGGTGGCTTTTGTGAATCAGTCCTCTGAAAACGGTCGGTCTGATGGTTTGCCTGTCAATTCTTCT
GCTCAGTCTGTGGAAGGAGCTGAATTGAAGCAAGCTCCATCTTCCACAGTGAGCCTTTGGCGGTTGAATCAA
CCCAGACAGATAAGGTGCAAGAACAAACCATCTTCAGTTGACAGTATTTAAAGGGCCTGATTCCGGAACAATC
ACCAACTTCAGTTACCCAGTCTATCTCATCCTCTGCAAGTCCAAATTTATCTGAACATAAGCTGTCACCTAAGGT
CCAGAAAGTATGTAAGCCAGAGCCAAACAGAAAAATTTCTTCAACCATAAACTCCATCATCTGTTCCCAATG
CAAGGACACCTGCTTCTGATGGTTACAATTGGAGAAAATACGGTCAGAAGCAAGTGAAGAGTCCTAAGGGTT
CACGTAGCTATTACAAGTGTACATATTCTGAATGCTTTGCTAAGAAGATTGAATGTTGTGATGACTCAGGGCA
AACAACAGAGATTGTTTACAAAAGTCAACATAGCCATGATCCACCTAGGAAGATTAGTATACCAAGGAAAGT

AAGCTTGTGCCCTATGTTGAGCCTGTGGTTAAAAAATCATTGCTGAGCATTCCAGAAGAGTAATTAATGATT
AGATCCTCCCACGTCTTCAAAAGAACC GTT GCGAGAAACAGCTATAGTTGTCTTTGAAAGGAAACGA

>trans_s_1348 EF693949|Cucumis melo ascorbate peroxidase mRNA, complete cds

GTCCATTTCTAAATCGTCCCATTCTTCCAAGTTTCACGTCATCATCATCACCATGGGAAAGTGCTACCCTGTTG
TGAGTGAGGAATATCAGAAAGCCATTGAAAAGGCTAAGAGAAAACCTCAGAGGATTCATCGCTGAGAAGAATT
GTGCTCCTCTAATGCTTCGTCTTGCATGGCACTCTGCTGGAACCTTCGACAAGGAGTCCAAGACTGGTGGTCCT
TTTGGAACATATGAGGTTCAAGTAGTGAGCTCGCCCATGGCGCCAACAATGGCCTTGATATTGCTGTTAGGCTAT
TGGAGCCGATCAAGCAACAGTTCCCCGTCCTCTCATATGCAGATTTTTACCAGTTGGCTGGTGTGTTGCTGTT
GAGGTTACTGGAGGACCTGAAGTTCCTTTCCATCCTGGTAGAGAGGACAAACCCGAGCCACCACCAGAAGGC
CGCTTGCTGATGCTACCAAGGGCTCTGATCATCTGAGAGATGTTTTCTACACCATGGGTCTTTTCGGACCAGG
ACATTGTTGCCCTCTCCGGTGGTCACACATTGGGTAGGGCACACAAGGAACGATCTGGTTTCGAGGGTCCATG
GACTACCAACCTCTCATCTTTGACAATTCATACTTCACTGAGCTCTTGACTGGAGAGAAGGAAGGACTTCTGC
AGTTGGTATCAGACAAGGCACTTCTGTCTGACCCCGTCTTCGCCCACTTGTTGAAAATATGCTGCCGATGAG
GATGCTTTTTTTGCTGATTATGCTGAAGCTCACCAGAAGCTTTCCGAGCTAGGTTTTGCAGATGCTTGAGCAAT
TGGAATAGGAAATGAGGCTGCAGGCTGTTGTTTATGTTAGCCTTGATTTTGAATGTAATGAGAAGGTTGAAT
TGGGAGATTGTTGTTTTTTCTTTTGGACAGTTGGTTTGATTTTGGGCTGACGTGTTGGGGAGACTTCGAGCTG
AATGTAATATTTTCATCTCCCACTTCTTTGGACTTTAATAATGTTGCTTGAAAATTTATCATTTTGGTGTGTTTA
GGCTATAATCCAATCAGCATCATTAAATGTCAATGAGCACGAAATACCGTTGAGCAAGGT

>trans_s_1349 NM_001055037|Oryza sativa Japonica Group Os02g0815400 (Os02g0815400)
mRNA, complete cds

ACCAGATTCTCAACTCTCACTCCAATGGCTTCTTTCACCTTCTTCAACCTCTCACTTTTCTGTCTTCCCATTCTGC
CCCTCTCTTTTCCAATATTCCAATCCAATCAGTTTCAGACCCTCCTTCCCGAAAAACCCCTTCCACTGAAGAAA
TCCCTCACTCTTTCCTTTGCTCTCGCCGAATCTGACTCCCCAAGTCCTTACCGCCCGACCCCACTTCTCCTTC
AAGAATTGGCCGACGTTTTGACCTTTCAAGAGATTACTTTGAGAAGCTTCCCGTGATCTTCGTCTTGATCTC
AACGATGCTGCTTTTGATCTTTCTAATGGACCCGTCATTGACGAGTGTTGGTCAAGAGATGGGAGAAATATTGC
TAAATCTCTCCCGAGCTTGGGAAGCCGCTGACACCTCCACTTCACATGCTTTAGTAAGCAAGTTCCTACGTTG
GTGCAATCCTTGACAGACAATTACAAGTCAGGATTTGGCAAGCGTTTGATATCTGCTGGAAGAAGGTTCCAGT
CGATGGGACAGTACGGTCAGGGTGAAGTACAGAAGATTGCAGAAGTAATGAATACAAGTGGAAAGCTTCTGT
CTGCATCCTCTACTCTAAAGTAACTGAAGAGCCCCAGAACGAAACCACAATGTTTAACTTTGGAGAACTCAA
GTTGAAGTGAACGCTGATAAAGCGAACATTGGTGCACCAATTGGTTTTGTTTTCGGAGTAATTCATGGCAACT
GAATCAAGGTGTCCAAAGTATTCTTGAGAGTTCTCTGCAGTATGCAAATGAAAATGCTTTACTTCTAGCCAAGT
CTTTGAGAGGTGCTCTACTTGCTGTTTCGTACACATCGGCTGTATTGACTGCTTCACTACCGTGGGATTAATCT
TACTTGCTAGACAAGTGAATCAAAGGAAGAGTAAGCTTGTCTTAATTATTTTCTCAACTCTTGTAATGTGTT
GTATTTAGTCGAAGAACTAAGCTCCTTGCTGGGACTTTTACTAAAGAATTATATGAATCCATCTATGTTTCATGG
CAATAATCTTGCTCAGTTTAACAAAAA

>trans_s_1350 NM_123960|Arabidopsis thaliana carboxylesterase/ hydrolase/ hydrolase, acting on
ester bonds (AT5G45920) mRNA, complete cds

ATCCTAAAGCTTTCATTTAAATTTGGATGCTTCTGAGCAAACAACCCATTTGAAAGATGAGACCAAAGATCTAT
CTTTTTGGCGATTCCATTACAGAATTTTCTTTCGCTGATGGCGGCTGGGGATCCGCTCTAACCAATCATTTCACT
CGCAAGGCCGATGTGGTGGTTAGAGGATACAGTGGCTACAACACGAGATGGGCGCTTAAGGTCATTGAACG
AGTCTTCCACCTTCAGAAGAACGCGAAGCTGCCTCACCGCTTGCCGTGACGGTGTCTTTGGAGCTAATGAC

GCTTGTCTTCCAGATAGATATGGCGCCTTCCAACATGTGCCCTTCATGAATACAAGCAAAACCTCATTTCAAT
CGTCACCTTTCTCAAGAAGAAATGGCCTGCAACACGTATTTTGCTTATCACTCCTCCTCTATTGATGAAGAAG
GGCGTTTACAGAACCCTTACGTTCCAAATCCACTAAATGAGCCTGAGAGGACTAACGATGCTGCTGGTGCTTA
TGCTAACGCTTGCATTGCTGTTGCTAAAGAATGTGGGGTTTCTGTTATTGATATTTGGACTAAGATGCAGCAA
GTTCTGGCTGGGAAAAGGCTTGTTAAGTGATGGACTGCACCTGACTCGAAATGGAAACACGATTGTGTTCCG
AGGAAGTTGTTAAGAGGCTGGAAGAAGAAGGATTGAGTCCAGAAACGTTGCCTGCTGATCTTCCACTTTTTTC
AGAAATGGACTCTACTAATCCACTGAAAGCTTTCGAAAAATTATGATAATGAGTTAACTGAACTGAGGATGC
CATCGAGGAGCACTGCAACTTATTCACAACCATGAGATGTGAGAATGAAATTGAACTCCTCTACAAACGAT
AATAATGCTTAATTACCGTTAAGAGTTGGATTTCATTCTTTCAAAACCTGCTTTATTAGACATCTATGGGATTACG
AGCATGCAGATTTGTCATTAAATAAATGGTCTTCTCCAATCATACAACTTACAATTGGATGGATAATTGGTAT
GATATTAATAATAAGGAAACGGAGTTTTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1351 BT025542|Arabidopsis thaliana At5g51040 mRNA, complete cds

AGAAACGTGTTCCACCAACACCCTGACGCGTGGGAAGGGACGGGCTCACATCTTTTTATATTATTTTTTAATAT
CATTAGAAAAATATTAATAAAATAAATAAAACCGTTCTCCACTCTTCACTTCTCTAGTTCTCTCCAATCTTCACT
TTCGGCTCCTCCCCTCCGATCAGAGGACGCCGGCGACCGCCGCTTACCCTCTCCCATCAGACGACACCGGCGA
CTGAAACTCCGATCTGACCAGCTGGGCTCTCCCTCCGTTTGGTTACTTGCTGTCTCGGTACTATCATTTTGAAA
TGCAAAATGGCAACTTTTATAAGGGCTCTAAGCAAAGCTCATCAAGTTCTATACTTGAAAGCCTCCCCCACCATT
TTGAGAAGCAAATTGATGCCCTTTTTGCCTAGTGTTTTATTGGGTTGGAGAATCTACAAAGCCAACTAACAAA
TCGAAATCAGAATCACCATGGTTGTTCTTTAGTCTCCATTTCTCTCGACAAGTACAAATCCTGACATCGATCT
CTCGAATGAGGATAGCAAGAGGCAATTATTCAATAGATTGCTGTACCGGAGCAAACAAGAGGGTTTTTGGA
ATTGGATTTGATACTTGGGAAATGGGTAGAGGATCACATCCATTCCTTAGATGCAGATGGTATTCGGGATCTA
ATTAATGTTCTTGACCTGGAAAAATCCAGATTTATGGAAGTGTTAACTGGCCAAGAGCAGCCCCCTGAAGCTT
TGAAAACAAATCCTGTATTTACTGGAGTGAAAGAGAAGGTGATGAACAATCTCAACAAACATGCCTCACCTGA
GACAAGAACACCACCTGGCCAACAATGGGTAAGGGGTTGGGATGATTTCAAGAAAGGTCGAGATGGCCCCA
TAACAGGAAATCAGTAGCTCTTCCCTTTAACTTTATGCCTAATCTCTTTTAAGCATATAAGAACAGAAAAGCC
CTGCTAAGGTTTCTATACAAATGGTGGATTGTGAATAAGTTAACCCACAAAGTACTTCGAAGGGAACCTTTGTT
AGTGGTCTTTTCTTAACCCCTTGATCCATCGTAAATTAATAAGTTTTTTTCCCTTGC

>trans_s_1352 BT012589|Arabidopsis thaliana At5g59410 mRNA, complete cds

AGGAAAGTAGCAAAAAAGTTCTTCAGGTTTTAGAGAGAGATTTTGGTGACCCAATAATTTTCATTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGGAACACTACAATTTCCCACTTCAAGATTGAATCCAAATTTACGAATTTTTTTTAGAAATTT
TGAATGGAGAGAGATTTACAGAAAGCCGTCTTCTGAATTTGTTTATTCGATTTCCCTCAATTTTCATGGCGTTCTT
GTTTTTCCAAAACCCTAGTAATCAGTAGCATCTCCATCTTCCCTCTCCATACTTCTCACTGGGTATCTCGAATT
TTCCCCCAATTTTCGATTTTCGGAGCAGTCAGCATGAAGGACGGGAAAACCTATGAAGGTCAATTCTCAGTTGC
AGCATCAGAAATGGTCACTTGCCACCCTTCAAATTGGCTAGATTGTTGATCCAGAGACTTCATGGGATAAGGA
TCAACTAGGAGATGTGTTGCATTGGATGAGACAGTCGGTTGCTCTTGATGTGGGCTGCTTTGGGGCTCCATA
CCTCTGGTTGGAGGAATTTGGTTCATCTTATTCTTGGTGATATCAACCACGATGATATATGGATATTATGCAAT
GATATTGAAGGTAGATGAAGAAGAATTCGGTGGTCATGGAGTTCTCCTCCAGGAAGGGCTGTTTGCTTCCGTA
ACTCTGTTTCTGCTTATGTGGACCCTCATTTATAGCTTGGGACACTTCTGACAATGGTTTTGTCAACGTTCTCGA
AATCGGCCAAAGCATCGGTGGAGAGGTTGGTCGCCATTGTTGCTTGCTTTTTATTAGTGAATGTGCAGTACC
TTACTGTTAAGGAGTGAAAACGCTTTTAGAAGTGGATTAATTTCATTAGGATTACAATTAACCAAAGTTTAGAA
ATTATTTACTCTGTTAGATCCAATCCAATCCTAAATCAATAAAATCTTTACCGAAATGTCGTTTTTTTTTCACTA

CATCCTTCCGTTAACCTAAACATTGCTCAATTGGTTTGGATATATGTCATTTGACATCAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1353 NM_121413|Arabidopsis thaliana ATNAP14; transporter (ATNAP14) mRNA,
complete cds

GATTCGACAACCTTTTGATCCTTGACGCCATTTATTTCGGCTTCATCCATTAGTCTGGTGAACGCAGATGCCATG
GCGAGCTTTGTTTCTTTTCTAATTTCTTCGCTACCCGAAACCAATCCCACTATCATACCTACCTGCTTCTCACT
CCTTCAGTTCCAATTCCCGGAGAACCAATGCTCTACTCAAATCCGATTACTCTTGCTTTGAAGTTAGGGATTAA
GCTATCGACCTCCAGGGACAGAGCATTCTCTTCTCAACGCAGTTAATTTTCCCTTCGAGAGAAAAGTTTGGG
TTAATTTTGGACCGAGTGGAAGTGGGAAAACCTACTTTATTGCAGCTTCTTGCAAGTCTAAGCAAACCAACGT
CAGGTTCCATTTGTGTCCAAAAGTACGATAAAGATGGCAAACCATGTCAGTCTTCTCAGCCATTAACCCCTGAG
AGAGTTGGCATTGTCTTTCAATTTTCAGAGAGGTACTTTATCACAGACAGTGTGCTTAATGAAGTCACATTTGG
CTGGCCCCGCAAAGGAGTGATTTTCATTTGAAAGAGAACCTGCCATGAACTCCAAGAGCAATTAATTGG
GTGGGATTAAATGGCATAGCCTTGGACAAAGATCCTCACTCTTTAAGTGGTGGCTACAAGCGCCGCTTGCTT
TGGCAATTCAATTGGTGCAGATCCCAGATCTGTTAATACTGGATGAGCCTCTAGCTGGTCTTGATTGGAAGGC
TCGTAATGACGTCGTGAAGCTTTAAAGAATCTAAAGAAAGACTTAACTGTTCTCATTGTCAGCCATGATCTCA
AAGAGTTCGCTGGCTTAGTTGACAATTCATGGAGAATGGAAATGGGCGGTGTTCTTAGAGAAGAACCTCTCCC
TATTTAATTTGTAACCTTAACCACGCGTTAATGCTTTTATTCTTGCTTTTGCAAGTCACGGCATCAACTCAAG
GACCAAACTGGTTGGAGACTCTCACAGGCTTATGGTAACCAACCATTTTGAATTATTGAATCTCTGGTAATT
CAATAACAGTTTGAAAATATTCAACATTTCTCAAATTTGGTCTAAAGGCCATTC

>trans_s_1354 HM245629|Glycine max AN1-like transcription factor (AN1) mRNA, complete cds

ACGACCCCTTTTTTCATCCCTTCATATTACCGCTCCCCCCTTCTTCTCCTTCGACAAATCCCCTAAATTCTAT
TTCCTAATATTCTTCTTTCTCAATTCTTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGATTTTGTGTATATCTTGAATCCGATCG
GAGATATGGCTCAAAGGACCGAGAAGGAGGAGACGGAGTTGAAGGTACCTGAAACCATCACGTTGTGCGTC
AACAACCTGCGGATTACCGGTAATCCGACCACCAATAACATGTGCCAGAAGTGCTTTAACGCTACGACGGCGA
CAGCAACTACCACCGCGACCTCGTCTTCTAATACTGGAATTTCTCCTCTCGGAAGTTGTCCGGTGAGAAAAGT
TTGAGATCTAGATCTCGATCGCCTGTACTAATGGATTCCGTTCTGTGACAATAGCAGGAATATGTCCATGGATC
GGTTCAAATCTGAGGAATCTGCCAAGCGTCAGGTTAATCGATGCTCCGGATGCAGAAAGAGAGTCGGATTGA
CCGGATTTCCGGTGCCTGATGTGGAGAGCTGTTTTGCGCTGAGCATCGGTACTCCGATCGCCATGACTGCAGCTT
CGATTACAAGGCCGCTGGTCGTGATGCGATAGCAAGGGAAAATCCAGTCGTCAAAGCGCCGAAGATCGTTAG
AGTCTGATTTGTATAAAAAAAAAAAGTCAAAAAAGAAGGAAAAAGAAACGAGGATAGAACAATCATATTTG
ATCTGATATGTCAAATTTAAGATCGTGGACTCGAAAGAGAAAAAGAAAATTTCTACGGAATTTGAAGGTTATA
AATCCTGCAGTCTCTCCCTCGGAGATTACAGATCTATTGAGAGGGAGCAAGGAATTTGTTCTGTCGAATATCAT
GATCATCGTGTTTGATTGATAATTATGAATTATCTCTTTATTTTAATTTTGGATTTATAATTTCTGCTTCAATCC
ATACTTCTTCTTCTTCTTCTTAGTTTCTGGAACAAAATTTAGATCATTATTTGAAGTTTCTTCAATATTC
AATCGATTTCTGTGTTCTGTATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1355 NM_127686|Arabidopsis thaliana translocon-associated protein alpha (TRAP alpha)
family protein (AT2G21160) mRNA, complete cds

ACCCTCCAAAATCGAAGCTTGGTCGTCTTCTCTCTGTAATCCACACTTTCAACTCTCAATCTTCGCTCTCCCT
TTGATTCCCATTGTGCCATGAACACTTTTCAGAGTTTTCTTCTTGCCCTTCTTCTCTCGCCTCTCCATTCCTCA
AAGCTGCCACATGTCAAGCGGATTGAGATGTGAAGCATCTGAGGCCGTTGAAGAAGTTAGCGATCTTGAA
TTGTAGGCGATGAAGATTCTCAGGATTTTGGAGAAGTGAACCTTGGCCCTGCTCCAGGAGTTGATACTGTCTG

TGTTTTTCCAAAAATAGTGACGCATAGTGCCAGCTGGTGAAGAGACTCAACTACTTGCTGGAGTGAAAAAT
GATGGGGAATCAAGCTTGAATATTATAGCTATTAAGGCCAGCATTCACTACTTTTGATCATCGTATGTTGAT
TCAAAATCTTACTGGACAGGTGTTCCACAATGCAACAGTGCCCCCATCAGCACAAAGTCTTACCCGTACATAT
TTGCTGTCAGCAAGTATTTGCAGCCTGGAAATTTTGATCTAGTGGGCACCATCTTTTATGAAATTGACCAGAA
GCATACCAAAGCATCTTCTATAATGGTACTATTGAAGTTGTCGAAGCTAGTGGTATCATCAGCATGGAGTCTGT
ATTTTATAGTTAGTCTTGAATTGCCCTTCTTGTCTGCTCGTCTTGTGGATTCATGGTCAAATACAGCAAAAACT
CTCCAAGAAACCCAAGAGGGCTGCTTCCAAGTTGAAGTTGGAACGAAGACCATTGATACTTCAATGGATGA
ATGGCTTCAGGGAAGTCTTACACTAAATCTGGATCTAACAAGTTGAAGAAAAAGAACTAATGAAGATTCACT
TCCATCCCAGTTGCACAGTATACTGACAATGTGCAGATTCTAAAACCCACATTAGGCAGTTGAAGGTTTGAG
GAGACAGTCCAAAGTTGACTAGTTTTGTAAGTTAGGTGCGGTGAACCCTTCCTTGCCACTGTAACATGTCGAG
GAATTTTTCTCATTCACTGTTTCTTAAAGCCAATCTAAATTAAATTTGCAACAAA

>trans_s_1356 NM_117160|Arabidopsis thaliana KELP; DNA binding / transcription coactivator/
transcription regulator (KELP) mRNA, complete cds

AATGTAAATAGAAAGATTGAGCTGAGCTCAGCCCAAAGCAAAAACTTTCCTAAAATTTCACTATCTTTCAAT
TTTTAGCTTAATCACTCTTCACTAGAAATCCACGGAGAAGTAATCCAAGAATTTGGCTATGGATTCCGAA
ACCAACGCAGAATCGAGGAAGCTGTCCGAGAATTCTCGAACTTCCGACATGGACGAAATGACCGAGTCC
AAAATTCGAGCCCTTGCTCTAAGGACCTCGATCTCGACCTCTCAAATCCCCTTACAAGTCTCTCGTTCGCACC
GTTGTGAATCATTTCTCCAAGAACGTTCTGAACAACAGCCTCAAGACCAAGCCGAGGATGCCTCTGCTGCTA
AGGAGAAGGAGTACGACGACGACGGCGATCTCATTGTTTGTGGTTATCAAGCAAGAGGAAGGTGACGATTC
AGGATTTTAGAGGGAAGACTCTGGTTTCGATTAGGGAGTTTATAGAAAGGATGGAAAAGACCTCCCTACAG
CTAAAGGAATAAGCTTGAAGTGAAGAACAATGGTCTGTCTTAAAGAAGAATGTACCTGCCATAGAAAAAGCTAT
TAAGAATATGCAATCACAATAATGTGAAGTAAGCAATCACCTGATGGTTGATTGGTTGAAGCCGTGATGCT
ATGTATCTATGGAAGCCACGTTTATCACAATGAAAGAGGGAAGGGGTTTTAGTTTTGGAAGTCTACAGTTTT
TTGGTTGCAGAATATTTTGATATTTTGGTACTTCTGTTTTGAGCCTAGATCGCCGACAATCAAAAACTTCAGG
CTACCTGTGTATTTTCATGGCATCAAGGTGGATAACTATGGTACATATTCTCGATCACCAGAGCTGATAATGGT
GAATGATCTCTTATCTAATTGTTTTTTCTAAAAAACGCATGACATGAATTTAAATGTATGTGATCCGAGCCATG
TCATTGAAGGTTGAATATCTTTGATATTTGATATTGAACTGATTCAATGTAGGAGACTGATGTTTGACTGTGAC
TCTATAGACATATGTGGTAGGCATTAATTAGTCTTCAGAAGCTCTTTGTGAAAAAAAAA

>trans_s_1357 NM_147882|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein
(AT5G21990) mRNA, complete cds

ATACACAAACAGTTCTGTTTCAAACCACCAGAAGTTATTGACAATTCTAAGACTGCTGATACCTACAAGAAGA
GTATAAACTCTGATAGTTTACAAGGATTGAGAGATGATCCAGAAGCTATCAGATCATTTAGAGATTTGTTTCA
AATGCTGATCCCGATACTCTAGCTGCTATGAACTTTGGAAAATCTGGTGGTATATCTCCTGACATGGTTGCCAC
TGCCTCAAATATGATCAGCAAAATGTCTCCAAGTGAGCTTCAAGAAATGCTTAAATTGGCTTCTTCTTTCAAG
AGGCGAATCCCCTCAACGCAGACGGTCTAGGCCCAAATCTGGACAGTGCAAACATGACCCCGGAGATGCTCA
GCTCGGCCAGTCGTATAATGAGTAGTATGCCACCTGAAGACCTACAAAGGATGTTGAAACTGCATCATCTTT
GAAAAGGAACGAGTCTGCTTCTGGGAATGGCAATGTACCAGATTCTGATACGAGGTCAAGATCTTTTGAGAG
TCAACAATCCAGTATGAGTGGAAGTAGAACACACGCAACACTAGTTCTTATGATGCATTGTGAACTTACGG
AGCAGTTCGTCTAACTCAACTATTCCAACCTCTTCTACTGACATGCAAGAACAATGAGAAATCAATGAAAAA
TCCAGCCATGCAGCAGATGTTACATCAATGATAAAGAACATGAGTCCAGAGATGATGGCAAATATGAGCGA
ACAATTTGGTCTGAAGCTTTCTCCTGAGGATGCAGCAAAAGCTCAGGAAGCTATATCATCTTTCTACCCGGAG
GATTTAGATAAAATGATGCGTTGGGCAGATAAAATCAAAGAGGTGTAGAAGGTGAAAAGAAAGCAAAGAA

TTGGTTACTTGGACGTCCTGGTATGATCTTAGCAATATGCATGCTGATATTAGCTGTAATTCTTCATTGGTTTGG
AATAATAGGGGGTTGAGTAAGAGATTTCGCTTTACTACTCCTTAATTAAATTTTTGTATAACACACTACTGACT
CCCTCAACCCTCAACTCAGGATTATGAAAATTAACCATTTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1358 AL161517|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 29

ACCAACAAAATTTGGAATTGAAAAGCGATTATTGTAGAGAGAAGAAAGAAGAAAATGAGTTCATCAACAAGA
GCGTTGATCGTAGCGGCCACCGTCGGCGTTGTGGAGGCACTTAAGGATCAAGGAATATGCCGGTGGAATCAT
ATCTTAAGATCGGCGCATCACTACGCCAGAAACCATGTTGGGTCTATTTCTCAGGCTAAGAAATTCTCCTCCGC
CGTGTCTTCCGCCAACCGCTCCAACAGTCGGAGGAATCTCTCAGAACAGTTATGTATCTTAGCTGTTGGGGTC
CTAATAACTGAACCCACCTGAATCTTTCACCCAACCAGAGACTCCGGTTGGACTGGCGGCTTTCGAGCCAAA
AAAAGACATTGCTGTCCGGTTTTGGAGCACTTGAGCTCACTTTTATCTTCCTCCCTTCATCAGTTTGTAATTGTA
ATTAAATGTTTAATGGAGGATTGGGAGCTAGTCTGATTCTTTCAACAAGTAAACCCAATATTTCCCATTATT
AATACCGGATTATTGATTATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTAAAAAACCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCCGCC
CCCCATCCCCCAAAAAGGGAAAAAAAAAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTAAAAACCCGGGGGGGGGAAA
AACCCGGGGTTTCCCAATTTAACCCCTTTGAAAAACCCCCCTTTCCCCCGGGGGGAAAAAAAAAAAAAAC
CCCCCCCCCATCCCCCCCCCAAATTTGCCCCCAAAAGGGGAAAGGGGGCCCCCCCCGAACCCCCCAAAA
AACGCGGGGGGGGGGGGGGGGTAAACCCCCAGGGGACCCTAAATTTTTCGGGCCCCCAAGCCCCCTTTTTT
TTTTTTTTTCCCCTTTTTTTTCCCCAGGGTGCGGGTTTCCCCCAAAAGAAAAAAAGGGGGGCCCCC

>trans_s_1359 BT020579|Arabidopsis thaliana At4g24330 gene, complete cds

AGGATAATATGGTGGTGCCATGTAAGGATGAAATTAGCTTCGAAGTCTATATGAATGATGATGCGATGGATC
ATATTATCTTTGCCGTGGCGAAGAAGAAAGCTGCCAAGCAATGCAAAGGATTTGAGGGATTTGCAAAGAT
TTGCCGGGATTTTGGCGCCACCCAGATGGGTTCTGAAGAGTTGAGCGTAATTTCTGAATCGAAGGAAGTCGC
TGCAGATTTGATCACAGAGGCCGTTCTTGACCAGGTTTTTGGTGAAAAATCTTTTGAGAAATTTGGGAAGTAT
TTCATCTCGATGCACTTCTCGGATCAGCATTAGGCATGCACAAGAAGATGCTGCTGTTCAAGTTGCCCTCCC
AGATGCCAACACATGGCAGATATTTCTCGTCTAGTAGCCCTTGTCCTATTACATCGACACTGTTGGACGCT
ACAAGCTCAGTTCACAGGCTCGCTCGAAAAGTGAAGCTGCCAGGTGCAAGGCTGCTCAAGAGGCATACAGAG
AGCTTCAAATGCAAGGCAAGAAGCGCTGCAGAAGAGGAAGGCAGAGAAGAAGAACTGATGGAAGAAGC
TGAAGCCAAATTAAGTGCTGAGGCTCTTCGACGGAAAGAGGCGAAAGACCGCGCCAAGCAGATGAAGAAAG
CGATGCCAAAGATAAAGATGAGCCGCACTCGTTAAGGATTCGATTTTTTCCAATGCATTCAACCATGAGTCGC
AAAGCAAACCTTGCTCTTCTTCATCTGGTTTTCTAATGTCGTTTAAGAGCTCAGCAAGGGTTCCTGGTTTCATCG
CAAATTTTGACGATCAGGGTAGTGACCGTGTACTTTTAGATTGCATTACACTAGCTCGTCATCCATAATAAC
AGTACTATAGAACTAGCTTTTGTTTTTTCGCTAAATTAATCCCTTTTTTCTTTATTTTAGTTCTCTACCTGTGG
TGGCCCTTTTAGTCATTGAGAACGATCTGGTTGCATAGGACTTTTACTGAAATGTATTGTTGAAGTCTTACTCC
AGTGATGAATTATAGACCTCTTTTGAGACGATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1360 EU860093|Arachis hypogaea pathogenesis-induced protein (PIP) mRNA, complete
cds

ACCAAAGGAGGTTGAGATTCAAGCTCTCTTCATTATCACCTTCTTTCGCAAAACCTCAAACCCACCCACCCCT
CCCCTCCCCTCCCTTTCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCAACTCTTCTCGCCGCGTCTCGCCTGAATTCTA
TTCTATCCAATCATGAACGACGACAATGCATGTGGAGTTATGGAGGCTCAGTACATACGCAGGCATCACCGTC
ATCACCCCAACCACAATCAGTGTACCTCTGCCGTTTTCAAGAACGTTAGAGCTCCCGTTCCTCTTGTGGTTCAC

TGGTGAGGAGATTTGATCAGCCCCAGAAGTATAAGCCTTTTGTAGTCGTTGTGTGGTGAAAGGAGACCTGG
GCATTGGAAGTGTGAGGGAAGTGAATGTGAAATCTGGTCTTCCTGCTACCACTAGTACTGAGAGATTGGAGC
TTCTTGATGATGAAGAACATATTCTCGGAATCAGAATCGTGGGTGGAGATCACCGGCTCAAAAACTACTCTTC
CATCATGACCGTCCATCCGAAGGTTATTGATGGAAGACCTGGGACACTTGTGATTGAGTCTTTCGTGGTGCAT
GTGCCTAATGGGAACACAAAAGACGAGACGTGTTATTTTGTAAAGCGTTAATCAGATGCAATCTTAAATCTT
TGGCCGACGTATCGGAGAGAATGGCTGTGCAGGGGCAAACCTGAACCGCTCGAGAAATAGTTGGTTGGGAGG
AAAGCAACTGAACATTGATGATGTGAATAGTTTCATGGTAGACCCAGAGGCCATTTTATTTAGCTCCCACTTGT
GCTATGCCATGTAAAGATTGTTTCTGAGCTATCCTATCACATTCTCTGAAGTTTTGGGTGTAAGTCTGGCGGTTG
ATTTTCCCTCCCATGGAGATGCATTTGGTTGGTTTTTTACAAGCCTTCCTTCCTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTAAT
CTTTCGTGTTACTCAGTTTCTTCTTTTCCGAAGGGGCAACGAGGATGAGTCTCCTCCTCTCCTTTACGCTAGCT
AGCTTTCATGGATGAAATTTGGAAGATTCTCATTTTATGTTAAATTATG

>trans_s_1361 NM_001037073|Arabidopsis thaliana LMBR1 integral membrane family protein
(AT5G65290) mRNA, complete cds

TGATTGTGAATTGTTTCGTTTCGGGCATTTGCATCGCCTTTCCCCCGTCTTCTCCCTTCCGTTTCAATTCACAAAGC
TCATCGAGGAGGGGAGCAATTTTCACGACGGAAACATGTGGGTCTTCTATCTGATCTCCTTGCCTTTAACTTTA
GGCATGGTGATCGTCACGCTCAAGTACTTCGCTGGTCCTTGGGTGCCTCGTTACGTTTTTCTTACCGTCGGATA
TACCTGGTTCTGTTCCCTCTCCATCATTATCCTCGTCCCTGCGGACATCTGGACGACTACAAGTCATCTGTCTGA
GACTGGAGTAATTTCTTCTTTTGGAGCTGGTCTATTGGAGTACATTCTTACTTACCTGGGCTGTGGTCCCACT
TATCCAGGGTTTTGAAGATGCAGGAGACTTCACTGTGAAAGAAAGACTGAAGACCAGCATCCATGTAACTTG
GTTTTTATTTGGTTGTTGGATCCATAGGTCTTTTGGACTGATTCTCCTCATTGCGATGCACAAAATTTGGCAT
GGCGGTGTTCTGGGTTTTGCTATGGACTGCTCAAATACATTTGGATTGGCAACAGGTGCATTTCTTCTTGGCTT
TGGTCTGAATGAAATTACCAAGAGTATTTGGAGAAATGCCGATTGGACTACACACCAAAAAAGTTCTTTCCCAT
CAAATATCGAAGATGGCTGTTAAGCTTGATGATGCTCATCAAGAACTCTCAAATGCTATTGTTGTTGCTCAAGC
AACATCTAAGCAGATGTCTAAACGCGATCCCCTGAGACCTTACATGAATATCATTGACAATATGTTAACTCAAA
TGTTTAGGGAAGATCCATCATTCAAACCACAAGGTGGACGATTAGGAGAAAATGATATGGACTACGATACCG
ATGAGAAATCAATGGCAACACTTAGGCGTCATCTTCGAGAGCAAGAGAGGAATATTATCGGTATAAAAGCC
AATACATGACCTACGTTATGAAGGCCCTTGAGCTTGAAGACACTGTAAAGAATTATGAACGGCGCTCGTCAAC
TGGATAGAAATATGTTTCAACCCTCANGCATCCTCGAAGTGGGAAGTTGGGG

>trans_s_1362 XM_002865907|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family
protein, mRNA

CAAACGTTTGATATTGCAGTCAGATTCATGAAGGCGAAGACTCCTGAACAAAGGGCCAGTGTTGATTTAGATA
CCCACTATTCAAAGGAATATCTTGAAGAGTATGTTGGATTGAAAAAAGAAGAACATTATTATATCGGGAATA
TGTTGAAGGTATATCAGCAACGGGAATGCAATCTAATGATGGTTTTGCGGGTCAAGTCAATGCATGCTGGAC
GCATAAAGTGACAAGAAAAGACATTGAATGCCTTCAGTCTGCTGGATTCTGGTATCAGTCATCCATGGCAGG
CACGATGTTATTGCTCAGATGTACTATGCTAGAAGACTTGCCGAAAAGCTGTATCCTGTTGCTAGAATGGTAG
ATCTCCATGGAGGTCATCTAGTCAGTCGAGAGAGAACCGAAGAGGTAAATCAAGCTCTTCTTGACTTAATCAG
AGCCTCAGAAACAAAGATGAGTCCACATGATTGGACAACTTGCCAAAGAAAAGCTCATGGTGGATGGAGGA
GAGAATGGCTTTTGTAACAATGAAGACTGAAGGAGGAAGCAGTATCTCCTCCCAACCTTTCTTGTTAGAGAAA
CTCCATCTTTTCTTCTGTATTTCTTGGTCTGATTCTTTTGGTTTTCGGGTATCTCCGAAACACCATCAAAAGTT
TGAAACCAACCCGAGTTGGAGCCTCCCTTACATGAACAAACATTCCAAAGACCCTAAATTTTTACAGAGTCTTT
CAATTTTGCTATGTGATGAGTAATGGTCCAATCGTCAAAGTGAAGTTGGGGGAATGAGTTCTTCTTAATGTT
GAGAACTTCTAAGTTCAACAAAAGAGAGGGGAAATCAGCGTAAGGCCAATTGTTAAAAGCTGATACTTCCCTAT

TGAGTAAATTGTAATATAACACATTGGAAGTGTAAATTATATATACCCTTTCTTTAAAAAAAAACAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
CAAAAAAAAAAAGAAAGGACAGGAACCCAAATCGGAACAAAGAAAGACGCCCCCCCCGCC

>trans_s_1363 AB061257|Solanum tuberosum StPDC mRNA for pyruvate decarboxylase, partial cds

GATTACAGCTCTGTTGGGTACTCCCTTTTACTCAAAAGGGAGAAGGCCATTATCGTGCAGCCTGATCGAGTGA
CCATTGGCAATGGACCTACATTTGGATGTGTTCTAATGAAAGATTTCTTCAAGCCCTTTCAAAGCGCGTGAAT
AACAACACTACTGCATATGAAACTACCATAGAATCTTTGTTCTGAAGGATGCCCTTTGAAAGCTGAGCCTAA
AGAGCCACTGAGAGTTAATATTTTGTCCAACATATTCAGAAGATGCTTAGTCATCAACGGCTGTGATTGCTG
AGACAGGGGACTCTTGTTTAACTGCCAGAACTTAAATTACCAAAAGGATGCGGATATGAATTCCAAATGCA
ATATGGTTCAATTGGTTGGTCAGTTGGTGCTACTCTTGATATGCACAAGCCGTTCCAGAAAAAGAGTACTT
GCTTTTATTGGTGACGGAAGTTTCCAGGTGACTGCACAAGACATATCAACAATGATCCGATGCGGACAAAAA
CCATCATATTCTTGATAAACAACGGTGGCTACACTATTGAAGTTGAGATCCACGACGGGCCTTATAATGTGATC
AAGAACTGGAAGTACACGGCATTGGTGGATGCAATCCACAACGGAGAGGGGAAGTGTGGACAACAAAGGT
TCGATGCGAGGAAGAGCTTGTGGAGGCCATTGAAACAGCTACAGAAGCCAAAAAGGATAGCTTGTGTTTCAT
TGAGGTAATTGCTCACATGATGATACAAGCAAAGAACTATTGGAATGGGGCTCAAGAGTGTCTGCTGCCAAC
AGCCGCCCTCCCAATCCTCAGTAATACAAAATTAATAATAACAATAAATTCATCAACTTTCAGCATTTACTTTT
CTCGTTATCGTGTCTCTTTAGGTAAAAACAAGTGTGTTGATTGAGATTTTATATTAGAGAAAAAAAAAAAAAG
TATTTCTGATGTAAATTCCTCTGAAGATTTTCTTATTGAGAACAAATGTTATCTGGGTTTTGTATTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1364 NM_001069056|Oryza sativa Japonica Group Os08g0562600 (Os08g0562600)
mRNA, complete cds

GACTATGTCCTCTCGCTACGAATTGGAAGTGAATTCAGTCCGCTAGAGATCTCAAGAACATCAACTGGAAG
TACGGCACTCTCAAGCCCTACGCCGTTGTTGGATCGATCCGCAGCAAAAATCGTCCACAAAGGTGACGCTG
AAGGAGATACATCGCCGTATTGGGATGAAACGCTCGTCATTCCTTCTCCTCATCGATCGAGGATTCTACGCTC
CATATCGACGTCGTTACGTCGTCGGCGCTGATGAAGACACCAAGCCGTTGATTGGCTCCGCTCGACTTCCCCT
TGCGGAGGTCGTCGACGATGTTGGACTTGGCGAAAGCTCTCAACGAACTCTCAATTGAAACGGCCATCCGGT
AGGCCGCAAGGGAAAATCGAAGTTAAAGTAACTGTCCGAGAACCACGTTACCGATCATCCGATTCTTATTACA
CGCCACCGTATGGAGTCCCACCGCCAGGTATCGCTAGGGATTTCTGCTCCGCCGCTCCTTATGGCGCTCCG
TACTCTGCTCCTCCAATCCTTACTATTCGACGGCTCCGCCGTCCGGATACCCCTACGGGGGGTATGGTGCACC
GGCGCCACCACCAGCAGCGGCTCCATACGGCCATTGCAATTACGGGCAGCCATCGTACGGTCAGGGAAGTTA
TGGGCAGCCAGCGTATGGCGACAGACGTACTATGGGCAGCCGGAGGAGAAGAAGAAAAGCAAGTACGGG
ATGGGGATGGGGACGGGGCTAGCGGTGGGTGCGGCTGCTGGAATTTAGGTGGATTGGCGATCGGAGAGG
GCGTGAGTATGTGGAGGACAAGATCGCTGAGGACGCAGCGGAGAGGGTTGAGGATGACCTTGGCTACGG
CGATGAAGATTTTATAGAGGCGTGTTCGGTTGGGTTCGTGCCTATTCAGTTCATGAGTTTCGGGTTGTTCTGTTG
GGCCCAATGGAACATGAGCTCATATATTTGTAGTAGGCTATTGTTTGTGGGGTCAGTGTGGGATTAGGCCCA
CTTGGTTTTCGCCTAGAATAATTTTCAAATCACAAAAATATGTATTTATTTTAATAATAACAATTG

>trans_s_1365 DQ924970|Capsicum annuum ubiquitin-conjugating enzyme (E2) mRNA, complete
cds

AAGGGATCCGAATTTGGTCCTGCACAGAGCGTACGACGATAATTTTTCACAGAGAGAAAGAAAAGAGAGAGA
GTTTTGATTCTGAATCAATCAACCCCATCTCCCTCTTCTTCTCTTCATTTCCGTCTTCATCTTTCAAGAATT
TGTTTCTAAATCCTTCAAATCCACCCAAGTTCCGCACTCTGTAGGAACGATGATTAAGCTTTTTAAAGTAAAGG

AAAAGCAGAGAGAGATTGCAGCTAATGCCAATGGAGTACCTCCTGTCAAGAAGCAAACCTGCTGGAGAATTGC
GTCTTCAAAAAGATATCAGTGAATTGAACCTACCAAAACGTGTAGTATATCATTTCTAATGGCAAGGATGA
CTTGATGAACTTTGAGGTCATTCATCCTGACGAAGGATATTATCTAGGTGGTACGTTTCTCTCTCTTTCCA
AGTTTCCCCTGTCTACCCTCACGAGCCACCAAAAGTGAAGTGCAAGACCAAGGTGTATCATCCTAATATTGACT
TGAAGGAAATGTTTGTCTCAATATTTTAAGAGAGGACTGGAAGCCCGTTCTGAATATCAACACTATAATATA
TGGATTGTTTCATCTTTTCACGCAACCAAATCATGAAGACCCCTCAACCACGATGCTGCGGCTGTTTTAAGAG
ATAACCCAAAGATGTTTGAATTCAACGTGAGAAGAGCCATGGCTGGGGGTTATGTGGGACAAACTTACTTCA
CACGTTGCATGTAAGATTCTACATGAATTGTAAAGCAACATATACATTATTTGAAGCATGGGCTCTGCAAGGTC
GTTGAACTTCTCTGGTAAGTTAATGTCTAATGTGTTGAGGACTGTCTGATCACCGACGCAACACAAAGTCCTTT
GTGATGGAGGTAGAACTTTGTTGTGTGTTGAAGTATTGGTTTCAAATGGACGTTGGGACTGGTAACTGAAAC
TCTTATCTGTGTATGTATTTTCTCTAATCTATCTTGAAAAGACAGGTCGCTCTTTTGCTATCAGTTGAAAGTAC
AAGGTATGTTTTTGTAGCCAAGAAAAA

>trans_s_1366 NM_120301|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT5G02230) mRNA, complete cds

CCCCACTCGCTCCATTCTTCATTGTTTCTTAAGAAGAACAACAACCTTTCTTTCTTTGCCCTCTCTCTGTAATAC
CCTTCTTCTCTCGTTCTCTCATTGTCCTTTTTTGTCTTGTCTTTTCGTTCCAGTTGGATTTCTAAATCAAATG
GAATACGAGAACCGGTTGAGGAGGCTCAGAGACCAAAATATGATTGTCTTCTTTTGTATTTAGATGACACTCT
GTATCCCTTGAGTTCTGGCATTGCAGCTTCATGTCTTCAGAATATTAAGATTACATGGTTGAAAACTGGGGA
TAGAGCAGAGTAAATCCCTGACCTGTGCAATTTACTGTACAAGAACTATGGAACAACCATGGCAGGTCTCAG
GGCAATTGGCTACAATTTTGTATTATGATGAGTACCACAAATTTGTCCATGGAAGACTTCCTTACGATAATCTAA
AGCCTGATCCTGTTCTAAGGAATCTTCTGTTGAACCTGCCTTATAGGAAAGTTATCTTTACAAATGCTGACAAG
ATCCATGCAGTTAAAGTTCTTAAAAAAGTTGATTAGAAGACTGTTTCAAGGCATTATCTGCTTTGAAACCT
GAATCCAACCAACAAGAACTTTGTTGATGAAATGAATCCAATCCCATCTGACTCAGAAATTTTGTGACATCATTG
GCCACTTTCTTCATCCCAATCCTGGGACGGAATTACCAAAAAGTCCCATCATTGCAAACCATCAGAGGCTGCC
ATTGAAAGAGCTCTCAAATTTGCAGGCCTCAACCCTCAGAGAACTCTGTTCTTTGAAGATAGTGTTCGAAACAT
ACAAGCTGGGAAACGTGTTGGGCTCGACACCGTCTTGATTGGCACTTACAGAGAGTTAAAGGAGCAGATTA
TGCCTTGGAAGCATCCACAATCTAAGGGAAGGAATACCTGAGCTTTGGAATGTTGAAATCAAATCAGAAAT
GGGTTATGCTGGGAAAGTTGGAGTTGAACTTCAGTGACAGCTTAGAACTATAACATCCTTGTTAGGTTCTTC
AAATCCTTCCAAAAA

>trans_s_1367 AJ012654|Prunus persica mRNA for ribosomal protein S28 (rps28.2)

GCGCCGTGTCTACAAATCTACAGAGTTCTCCCCGGGCTCATTTTCTCTCCCCGTTTAAGGTTAGTATCGACGT
GCTTCTTCGATCCATGGATTCATGGTGATTTCCTTGTTCTTGTCTGTTCTTATCCATAGCATTGGCAGCACT
TCCTTTTGCATTCTCTGCGACAAAGCTGACAGATGATTGCATTTATTTTTCAGTTTTGTTTTTGTTCCTTCG
GTGGTTAGTGTTCTTGATTTAGATTTTGTTCACGATTGAACCTTACGGAAGAAAATTTTCTGAGTGATTAT
TACATGGAGAACTCTGTTTCATGATAGACAGATGATTATTGAGATTGAGATTCTAGATTGAGATATTTTTT
ATTTTGCAGTTTTTGTATTGTTTATTAGTTGAAACCTGAGATGTTATGCAGACATTGTCGTTCTCCCTCTCTC
ACTTGGTTCAAATATTGAAGTAATTAGAATTGTAACCTCGTATATGCTTTCTGAAAGTTGGTTCTTTAACACAT
CTATAGTTTCATAGAATATTCTGCTCTGATATACATAAGGTCTTCTGTTTCCCACTAGTTGTCCTTGAACCTTAATA
TTATGTTGTTGCAACTATGTTGTTGCAATTATGTTGTTCAAAGATTCTGGATTGTATAAGGTTAAGTTATTGG
TGGGTCGTTTGAGGAATGGAATCCCAAATCAAGCATGCTGTTGTGGTCAAAGTAATGGGTAGAACTGGATCT
AGAGGGCAAGTGACTCAAGTGAGAGTTAAGTTTCTGATGATCAAATCGTTACATTATAAGCAATGTCAAGG
GACCAGTGAGGGAAGGTGACATTCTACCCTGTTGGAGTCTGAGAGGGAAGCTAGAAGATTGCGTTAGATCA

AACCCACACTTCACCAACCCACAGTTGCTGAATTTTATGTTTTAACTTCAAATAGAATTGCTCTTATCATTTTTT
CCTCCTTTATGTGTGGTTTTAGTGACATTTTGGTTCTAAGCCAGAATACGAGTACTTTAATTGAGTTTTGAAACC
ATTTATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1368 AY335187|*Humulus japonicus* Humj1 mRNA, complete cds

AGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGCATTTAGAGAAGAGTAATGAGAGAAATGAGTAGTAGTAGAGTTGCAA
AAATGGGAACAATCACAGAAGCTTTAGAATGCTCTCTCAAAAATGTTCTTAACCCATAATCACCACCACCAC
CACCATCATCATCATCAAACCTCATCAACAACCTCTAATTTCTTCTCTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT
TCTTCTATTTCATCAGCATCATCATCAATCAACCTCTTTGGATCTCAACTCTCATCTCTTTGCCTTACCATTGGG
AGCAATGCCTTGATTTAAAGACAGGGGAGATATACTACATAAATTGGAGGAATGGAATGAAGGCCAAAGGAA
GATCCAAGGTCTACAATAATAGATGAAGATTATCAAGATGATGAATATAGTGAAGATTATTGTTATTACTACTC
AGACGACAACCATGAGGAAGAGGAGGAGGATGATGATATTAGCTCTTACGACAGTGAAGAGTCGTCAACGG
AATCGACAAACATGATGATGATGAAGAAGAAGAAGAAGAAGACGTTTGTGGTTGAAGAAGGAGAAGA
AGAAAAAGATGTATTGGTGGTTGGAGGTTGCAAGAGATGCCTAATGTATTTTATGGTTCCAAACATCTTCAA
GATTGCCCTAAATGCAACAATGGTCAGCTTCTCCATTTTGATCGCTCTCAAATCACATTATCCATGAACTCTT
ATCATTAGACGACAAATTAATTAATTTTTCAATTTCTCATTCTTTTTCTTCTTCATGAGAAAAAGAGAGGA
AGAAAGAGGAATAAATTAATAAAAAAAAAAAAAACAAAAATTCCTTTTTCTTCTTTCTTCTCTCTTGGTTGAAATT
GTTTCCATGTGTATTTGTCAGAAAAGGGAGGCCAAATGAGTTTTGTTTTAGTTTTCTTTTTAAATTATTATTTT
AAAATTTCTTAGTTTTTCTTTAATTATTTTTGTTAATTTTGAAATGTAATGGAAAATGGAAGAATATGAGAAT
CCTGTGATGGGTGTTAACTACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1369 DQ269467|*Cucumis melo* carotenoid cleavage dioxygenase mRNA, partial cds

TCCCCGACGGTCCTTGGTGGAGGTCTCTCCAAACCCAGTAAAGGCCTTGTATCCAAGGCCACCGATTTGTT
GGAGAAGCTCTTTGTCAAGCTTATGTATGATTCTTCTAAGCCTCAGCACTATCTTCCGGTAATTTTGCTCCGGT
TCATGATGAGACTCCTCCGATTACTGATCTCCCTGTTAAAGGTTATCTTCCGGAATGCTTAAATGGAGAGTTTG
TTAGGGTGGGACCAAATCCGAAGTTTAGCCAGTTGCTGGCTACCACTGGTTTGATGGAGATGGCATGATCCA
TGGATTGCGCATTAAAGATGGAAAAGCATCATATGTTTCCCGTTATGTGCGGACATCAAGACTTAAACAAGAA
GAATATTTTGGAGCTGCTAAATTCATGAAGATTGGTGATCTGAAAGGGTTCTTGGGTTAATAATGGTTAACA
TGCAATGCTGAGAGCAAAGTTAAAAGTGTTGGATGTTTCGTATGGAAGTGGGACAGGTAACACGGCTCTCA
TATATCACCATGGAAAGCTGCTAGCACTTTCGGAGGGAGATAAACCTTATGTTATAAAAGTGTTGGAGGATGG
AGATCTGCAGACGCTTGGTCTGCTGGATTATGACAAGAGATTGACACACACCTTCACTGCTCATCCAAAGGTT
GATCCAGTCACTGGCGAAATGTTTACATTTGGTTATTCTCATTACCGCCATATGTTACCTACAGAGTTATTTCC
AAGGACGGTCTCATGCATGACCCAGTACCAATCACAATTCCAGCTCCTGTCATGATGCATGACTTTGCAATTAC
AGAAAATATGCAATTTTATGGATCTTCTTTATATTTTAAACCCAAGGAAATGGTGAAAGAAAAATAAGTTAA
TTTTACATTTGATGCTACAAAAAAGCTAGGTTTGGTGTGCTACCAAGATATGCAAGATGACTTGCTTATCCA
ATGGTTTGAGCTTCCAAATTGTTTCATATTTCCATAATGCTAATGCTTGGGAGGAAGGAGATGAACTAGTTTG
ATTACTTGCCGTCTTTGAGAATCCCGACTTGGACATGGTCAGTGGGCCTGTAA

>trans_s_1370 AY106899|*Zea mays* PCO110557 mRNA sequence

AGACCTCCAAAGGTTCCATTTCTCCAAAAGGCTACTCCCAATGGCCAGAGATATCCTTCCCTTCGAATTCGGG
GGCGGCGGCGGGGGCGAGAGCGAGCGCGGCGGAGACGTTTTCTTCGGTAAGGATGATATGAAAGAGTACG
CATGGGATGGAGTTTACACCGAAGAAACAGTCCGATTATCGAAACAGAATCCGCCAAGAAAGCTCTGAGAA
AGAGAAGCAGAAGAAAGCTAGAACCATTCAATTGCTTTGAGTTCTTGAGAATCGTTTGCTTTCAAATTTCTAA
CTCTCTTCATTCTCTTTAATTTTCTCTTTGTAGATCGAATGAAATGTTTCATATCCATTTAATGATCTTCGATCC

TTTTCTTGCTTCGCTCGATCTCGATGCTCATTATCGGAATTTCTGAGCCAGGATTTTGTAAATTAGAAATT
GTGATTTCTGTATATACTTCTATTGTTTAGAAAGCTTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCGGAAAAATTTAAAAAACCCCCAACCCGGGGGGGG
GGCCCGCCCCATTCCCCCAAAGGAGGGCAAATAACCCGGGCCCCGGGGGGCTTTTAAAAACCCTGG
GGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTAAACCCCTTGGGAAAAACCCCTTTTCCCCGGGGGGAAAAA
AAAAAAAGGCCACCCAAACCGCCTCCCCAAATTTCCCCCCCCTAAAGGGAAAAGGGGACCCCCCTTGA
GGCCCCATAAAAGGGGGGGGGGGGGGGGGTTTCCCCAAGGGGCCCTATTTTGCCGCCCCCTAGCCC
CCGTTCTTTTTTTTTTTTCCCTTCTTTTTCCCCAGTTTCCGGGGTTTCCCCCAAATTTTAAAAAGGGGGCC
CCCTTGGGGTCCCAAATTTGTTTTAGGCCCCCGACCCCCAAAAATTTGTAAGGGGGG

>trans_s_1371 AL161573|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 69

AAAACGTCCCATTTCAAACCCAGAAAAGAAAGAAAGAGAGGTTTACCTGATATTGGGATTGAGATGGCAACG
TTTCAATCTTTTTCTATAGCATTTTTGGTCTTTGTGATTGTGTCTAATCACATTGTGGTTGATGCAAATGTTTCGA
AGAACATGGTCATAAACTGGGGACATAGTCAGTCCAAAATAATAGGGGATAACCTTCAGCTTGTTTTGGACAA
CAGTACAGGCTCAGGAGCAAAGTCAAAGAGAAGTTTCTTATTTGGAAGCTTTGAAGCTCGAATCAAGTTGGTT
CCAGGAAATTCTGCGGGTGTGTAACGGCATATTATCTATCTTCTACCGGTACAGCTCATGACGAGATAGACT
ATGAGTTCCTGGGGAATGTTACAGGACAGCCTTACACCATTACATAAACATATTCGCTAAAGGTGTTGGAAA
CAGAGAACAGCAGTTTCGAGTGTGGTTCGATCCTACTGCTGATTTCCACAACCTACACAATTCAGTGAATCCTA
ATGCCGTTGTGTGGTATATTGATGGCACCCCAATCAGAGTTTTCCGCAACTACGAGAAACAAGGAATAGCTTT
CCCTAATAACAAGGAATGAGAATATATACCAGTTTGTGGAATGCAGATGATTGGGCAACTCAAGGAGGTGCG
TGTGAAAACAACTGGACTAACGCACCATTATTGCTGGCTTTCGGCAATTTAGGCCTAGAGCTTGTTACTGG
AATGGAGTGGCCAGCATTACCCAATGTGCCACCAAGTCCCTAGCAAATTGGTGGAATTCTCCAGCTTATGCAC
GGCTAAGTCTCCTCAGTTGGCCAACTTAATGAAATCCAAAGAAAATACAGGATATATGATTACTGCAAAGA
CACTATGCGATTCAATGGGAAAATGCCACCAGAATGTTATAAAGCACAGTACTAAGACAGGGGATGAGTAAA
TTCTACCAACGATAATCCTATCGCACTCCCATGTTTTAAATTTGTTAATTTTCTTCTTTCAGAGATGAGAGAGC
ATTTCTCTTTTCTTTTCTGGGTACTGTTTTGTAGCTTATAGCTTTCTGATTGGGT

>trans_s_1372 AL161471|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 1

GGCGCAACTGTAAATCTTCGCTTCCGGAGCCCCAATTAAGCTAGGGTTTATCTAAACCAAACAATCCCCGA
TCTCCGTCCCCGACTATGGCACCCAAACGCCCTCGCCGTTGGATGAGCCTCCGGCAGCGTCTTCTCCGAAGA
AGAAGAAACCTCATCAGGCGAGGAGGAGGAAGGCGTTTCAGAGATGGATCTTCTCTGAAGAAGAAGAAG
AGGATGAAGAAGAACTCAAGCTCAGACTCAGAAACCGAAGAAACCTTCTTCTCTTCTACTCCTGCTGTGCA
GAAAAACCTGTACCTAAGAAATCTCAACCTTCTACTAACACTCAGGCTCAGTCTTCTCTCAGAGACCGGAT
CCGGATCCGACACCGATTCCGATACTGAGTCCGGACGAAACGTCAAGCCGATTGCTTCTAAGCCGATGGAAG
AGACTCCGAAGGTGAAAAAGCCCAGATCCAAGCCTTCTGCCTCAGCTACGCTGCGAGACCGTCTTTGAAGAA
GCCTGGTGAGTCGACAAGACATGCAAAACGGCCAAAGAAGAGTTCTGAGGCTGACGCTGATGATGGGGTTG
TGGCGGAAGACGATTCCAAGAAATCTGTTGACGAGTCCAAGAAGCTGTTTCAGAGACTATGGAGTGAGGACG
ACGAGATTGCTATACTGAACGGTATGATCGATTATTCAGCTGAGAAGGGTTCTGACCATCTTTGGATATGAA
TGCATTTTATTATTTTATCAAGAAATCTCTCCATGTTGACGTAACCAAGGCCCAATTAATGGATAAGATACGTC
GACTGAAGAAGAAATATAGGAACAATGCAGATAGAGGGAAGAAGGGTGCAGACCCAACGTTCTCAAAAGCC
CACGAGCAGAAAGGGTTTGAAGTGTGCAAGAGAATATGGGGCGGCGAAGGAATTCTTCAACTCCGGCTGT
GGAGCAGCTCAAGCCAAATGCTAATGGCACTCCACCTCTCCAACCTCTTGCCACAATTGCCTGACTGTTAGG
ACAGTCCCTCCGAGTTGAGGGGAAGAGGATACCTGGGCTTGGACCCACTAGATAGGTACTGGTCC

>trans_s_1373 BT024705|Arabidopsis thaliana At2g39650 mRNA, complete cds

CACGTTTTCTGATGAAACCATGTAGATGATGGGTATAATTGATTAACCTCTTACAATATGTTGTTTATTTCTGT
GTGTTCTATAAGAATCCAGTATCCCAGTACGAAAGTGATTTGCTTTCAGTTGTTCACTTACCTTGCAATG
AATGCGAAGGATCTGAACATGAACAAGACCGGTCCTTGCAATGCTAGTTGTATCCGTTTTGTTTGGTGAAGC
TACTGCGACGCTCCGGTTATGATGCTGCCGTATGTACAACCAGATGGCAGGGTGCTGGCAAGGTCCCTGGAG
GTATCCCCTCAAAAAAACCTTATTGATCTTACTTCTAAAGATGGAGAATTTTCTGTTGAAATAACAAATAAAAA
GATAAAAAAACTCAATTGGGAGTGTGTGGGTGTGGTTTAATTACTTTTTAGTTGTAAATCATTTTTAAGCATA
AGAATAAGCTTCTCTTTAGTAATTTATTCCATCAGAAGTTCTATTCTCTGCTTTTTTAGTGGTGCTTTAGGGTAT
ATTATCTGGGAGTTTGATACTCTATTTTATGAAGGAATGAGGTTGAACTTCTCTGCATTTCTCCAGCACCGTTT
CTTTATTTGACATAACGCGTTTTGCTTTACATCTACAGGAGATCATGAGTATATTGATGTCGTTAACTACACCTC
TGGAAGCTCGGAGAGGTTGATTATCGATATCGACTTCCGAAGCCACTTTGAAATAGCCAGGGCAGTCGAATCC
TATGATAGAATATTGAATTCTCTTCCAGTAATCTATGTTGGATCATTATCCCGGCTTAAGCATTTCCTTCAAATT
ATGGTTGAAGCTGCAAAGTCTTCACTTAAGCTAACTCCATGCCACTTCCTCCGTGGAGATCCCTTGCGTACTT
GCAAGCCAAATGGCAATCACCAAGCCAGAGAATGCTTCATCCCGAAGAACAGCAGCAGTTGGGGGCCAAAG
ACATGTTGATGAGCCACAAGCAATGCATTGGACACTTAAAGAGACTTCAGTCAGTACTCCAATCAGAGACTGA
AACAGATCGGTTTTTGAGGCCGGTGAACAGTGATAACATTAAAGGGGC

>trans_s_1374 NM_001084956|Arabidopsis thaliana early-responsive to dehydration protein-
related / ERD protein-related (AT4G22120) mRNA, complete cds

GCCCACTGTTTCATCACCATTTCACTCCCCCTAAGACGCAATTCCTTGTCCGTTTGATCATTTCCAATAAGCAAGT
AGATGACGAAGAGAAAGGAACCTTAGTAGCGTATCCTCTTAGTTTTCTGTAAAACAAGTTGGAGAATCTTCTT
TTGTTTGATTGCTCTTTGAAGCAATCTGAAGCCTCTCTTCTTCTCCCTATTTTTCTGTATTTGCCTTGTTTAAGA
CTCTGGAGCTGATTGGAGACTAATACGGAGATAATTAATTGCTTGCGGAGGAGCTATAAGGAAATGGCTAC
TTTGCAAGATATTGGGGTTTCTGCAGCTATCAATATTCTCACTGCATTCATCTTCTTTTGGTTTTTGCCGTTTTA
AGGCTCCAGCCTTTCAATGATCGGGTGTACTTTCAAAGTGGTATTTGAAGGGTTTAAGGAGCAGCCCAACAC
ACGCAGGTGCCTTTGTACGTAGGTTTGTCAACTGGACTTTAGGTCATATCTGAAGTTCTTGAATTGGATGCCC
GAAGCCATCAGAATGCCAGAACCTGAGCTCATTGACCACGCAGGACTGGACTCTGCTGTTTACTTGCGGATAT
ACTTGATAGGGCTTAAGATCTTTGTCCCAATAGCATTCTTGCATGGGCTGTACTGGTGCCAGTTAATTATACC
GATGATAATGTGAGTATTGCTGTAGTGACGGCTAATGTGACTGCTAGTGATATTGACAAGCTTTCAATATCAA
ACATCCCTGCCAAATCACAAAGGTTTTGGAGTCATCTCGTGATGGCTTATGCATTTACCGTGTGGACATGCTAC
GTACTGATGAAGGAGTATGAGAAGATTGCTTCACTGAGATTACAATTTCTTGCATCTGANAAGCGCCGTCCAG
ATCAGTTTACGGTCTTGTAAAGAAATGTCCCGCCAGATCCAGATGAATCAGTCAGCGAGCTTGTTGAGCACTTT
TTCTTAGTGAACCATCCAGATCACTATCTTACTCATCAGGTGGTACGTGATGCAAACGCATTAGCCAAACTGGT
CAAGAAGNGAAGAAAGCACAGAACTGGCTTGACTTCTACCAACTCAA

>trans_s_1375 HM536196|Camellia sinensis var. assamica lycopene epsilon cyclase (LYCE) mRNA,
complete cds

TGTATCAAGTCGGGTGTTTCATATCTCAACTCCAGAGTGAACAGCATTATGGAAACTACCTCTGGCCATAGCCT
TGTAGCCTGTGAACATGATATTTTGTTCGGTGCAGACTGGCAACAGTTGCATCAGGAGCAGCTTCAGGTAAA
TTGCTGCAGTATGAGGTTGGTGGACCAAGGTGTCTGTCCAAACAGCTTACGGTGTGGAGGTTGAGGTGGAA
AACAATCCTTATGATCCAAGTCTTATGGTTTTCATGGACTACAGGGACTACGCAAAGCACGAAAATTCATCTTT
AGAAGCGCAATATCCTACATTTCTTTACGCCATGCCCATGTCTCCGACAAAAGTATTCTTTGAGGAACTTGTTT
AGCTTCAAAAGAAGCTATGCCATTTGATCTGTAAAGAAAAAACTCATGTCTAGATTAAAGACTATGGGGATC
CGAATAGTGA AACATATGAAGAGGAATGGTCTTATATTCCAGTTGGCGGATCCTTGCCAAACACAGAACAG

AAAAACCTCGCATTTGGTGCAGCTGCCAGCATGGCACATCCAGCCACCGGTTATTCAGTTGTTAGATCTCTGTC
TGAAGCTCCAAAATATGCTTCTGTTATTGCAAAAAGTTTTGAAGCAAGGACAGCTAAAGGATGGTCTTGCTAGC
GGAAGAAATTATGGGAATATCTCAATGCTGGCGTGGAACACTCTTTGGCTACGAGAAAGGAAACGCCAGAGA
GCATTTTTTCTCTTTGGGCTTGCAATTGATTGTTCAACTGGACATTGAAGGCATTGGAACATTTTTCCGGACTTTC
TTCCAATTGCCAGATTGGATGTGGCAAGGATTTCTTGATCAACTTTATCTTCAGCAGACCTCGCACTTTTTGC
ATTGTATATGTTTCGTCATTGCTCCAAATGACCTAAGAATGTGCCTCGTTAAACATCTCCTTTCTGATCCTACTGG
AGCAACCATGATAAGAACATATCTCACATTAGCTTGAAATTACCCCTTCCAAGATTCTTGTTCCCTGTTATGTAA
GAACTATGTTTAGATTACACAAGCAGCCTGAGAGGTATTTTTTTTTCTCAA

>trans_s_1376 BT004684|Arabidopsis thaliana At5g65493/At5g65490 gene, complete cds

ACCATAAGATTCAAGAAGTCAAAATTCATCTCAGAATTCAGAGCATCCACAAGGATTCCATTTGTCTATCCAA
ATACCGATTATCTCTCTTTCCGGCGATCGTCGATTTTCAGTCTCCGCCATGTGTAACGGCCACCACCGACCATT
GTTTCAGAGGTAGCCCTCCTCCATACCAGACCTCCGTACCGGAAAACGGCGCCGCATCCGTTGTGGACAACCTA
CGGGGCCGATTAGAAGAAACCGAGTTGCGGCTGGCTCAAGTTAGGGCTCGAGAGGCGGAGCTCAGCCGACT
CTTGGAGGAAATGAAACGGTTAGTATCTGTGATGGAGATCCTCGAGAACTACCTGAAACGGCAGTACAGCGA
CCGTCAAGAATATGTGGTTCGTCTCCTCTCCCCTGTATCTCGAAAAAGAAATTCCTCTTCGCCGTGGTGTCTA
TAATTTTAGCAGTACCATCCAAACTCGTTTTGTTTACTTGCATCTTCGCTCTTCTCACTCTCAATCCTCGTAGAT
TGTAATCGCCACCAATGTATGGATTTATTCGTCCTAGATTTCTCTTGTGAATGGAATCGTGAATCGATACCA
TTGGCTTGCTCAGTCGATGGAGATTTTCAGTTTTTTGAATGAGAGCGAGTTGCAATCGCTTAGACGATCATT
TTGTTGTTTCTTGATGGAATATATGGCAGTTTTCTGTAATCCAATTAGTCATATTGTATGTTTTCTCAGATTAA
CGTTGGTTTTAATAGGTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCGGCCCCAAAAATTTTTGAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGGGCCCCGGCCCC
CCCTTTCCCCAATAGGGGGGTAAATAACCCCCCCCCCTGGGCCTTCTTTTAAACGGGGGGAGGGGAAAAA
CCGGGGGGTTCCCAATTAACCCCTGGCAAAAAACCCCTTTTCCCCGGGGG

>trans_s_1377 Z25863|S.tuberosum mRNA for glycine hydroxymethyltransferase

AAGCCACTTCGTGGCCACGTGGAGCCATGATTTTTTTTAGGAAAGGAGTGAAAGAGATAAACAAACAAGG
GCGGGAGGTGTTATATGACTACGAGGACAAAATCAACCAGGCTGTCTTTCCTGGTCTACAAGGTGGTCCGCAC
AACCACACAATTACTGGTTTAGCAGTTGCACTGAAACAGGCAACAACCTCCAGAATACAAAGCCTATCAAGAGC
AAGTTCTTAGGAATTGCTCAAATTTGCACAGTCTCTCGTTGAGAAAGGCTATGAACTTGTATCTGGTGGAAC
GAGAATCATCTGGTCTAGTAACTTGAAGAATAAGGGTATTGATGGTTCAAGAGTTGAAAAGGTGCTGGAA
TCAGTTCATATCGCTGCCAACAAAAACTGTTCTGAGATGTCTCAGCTATGGTTCCCGGTGGTATCAGGAT
GGGAACTCCGGCTCTTACCTCCAGAGGATTTGTTGAGGAAGATTCGCTAAGGTAGCAGAGTTCTTTGATGCT
GCTGTGAACATAGCCGTAAAGATCAAAGCAGAAACCAAAGGAACAAAATTGAAGGACTTTCTTACCACAATG
GAATCAACTCCTTACTTCCAGTCCGAGATCAAAAATCTAAAACACGATGTTGAGGAATATGCAAAGAAATTTCC
TACTATTGGTTTTGAAAAGGAAACAATGAAATACAAGAGCTGAGAAAAAAAAGCCTGCCTGGAATGAAGCA
GAAAAGAAATGGTGGCCAAGAACTAAAGGGTCGTGTGTCAAGTTTGAAGTTTAATTATTTTATGTGCACA
AATTCAGCAGATCATTTTGATTGGGTCTGAGATGTATATATTGCATTTTGAAGTTATCTACGAAAATAAACTGG
TTTGTTCCAGTTATTTCTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAACAAAAAAAAAAAAACAAAAAAACAAAGCAAAAAAAGA
AAACGGCCCCCGCCCCCAGCAAACCTAAGCAAAACCGCGAACCCCCAGAGGGGGCCCCGA

>trans_s_1378 AB083025|Glycine max mRNA for syringolide-induced protein 19-1-5, complete cds

>trans_s_1379 273932|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB1C

>trans_s_1380 NM_001057074|Oryza sativa Japonica Group Os03g0577000 (Os03g0577000)
mRNA, complete cds

AGGCTTCCCTTCCCACATCTTAGATCTTTTTGAGCGGCTTCATTGCTCTCTTTCCAGCCTCTCTTTGAATATGGC
GACCCAGATGAGTAAGAAGAGAAAGTTCGTAGCCGATGGAGTGTTTTTGCCGAGCTAAACGAGGTTTTGAC
CCGAGAGTTGGCAGAGGATGGGTACTCCGGTGTCGAGGTAGAGTCACTCCTATGCGCACTGAGATCATCAT
CCGAGCCACCCGCACCCAAAACGTTCTCGGTGAAAAAGGTAGGAGGATTAGGGAGCTAACCTCTGTTGTGCA
GAAGCGGTTCAAGTTTCCGGAGAACAGTGTTGAGCTTTATGCCGAGAAAGTTAAACAATAGAGGGCTTTGTGC
CATTGCCCAAGCCGAGTCACTTCGTTATAAGCTACTTGGTGCCCTTGCTGTTCTGATAGGGCATGCTATGGTGTTCT
TGAGATTCGTCATGGAAAGTGGAGCGAAGGGTTGTGAGGTGATTGTTAGTGGAAGTCTAGGGCACAGCGT
GCAAAATCTATGAAGTTCAAAGATGGATATATGATCTCTTCGGGTCAACCAGTCAGAGATTATATTGACTCGG
CTGTTAGACATGTTCTTCTCAGACAGGGAGTTCTTGGTATTAAGTGAAGATCATGCTTGATTGGGATCCTAAG

GGCAAGCAAGGCCCTACCACCCCTCTTCTGATGTCGTCACAATCCACTCTCCCAAGGAGGAAGAAGAAATCG
TCCATAGACCACCAGCAGTTTTGACCGCTGATATTGAGGTTCCAGTAGCAGTACCACCAGTACCAGTAGCTTG
AGAGGGCTCTATTCTAGATATTAATGTATGGAATCAATCATCGTCCATTTTGTACTTTCTTTCCCAAAGATTTG
TTATGTCTCAGTGATCTGTTGGTTTGGGCCTCCCGACTGCAGAGCGTTCTTTTGTATAATCGAACAAAATGCAT
ATGGAGAACAGTCTTTTTGAGATATTAATTTTCAATTTTGCCTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1381 NM_001125629|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding
(AT4G32640) mRNA, complete cds

GACTATAATGGTAACTTTAAACATGACGACAAGTTACAGGATGGCTCGGAATGTGCTTTCCAGTGTGCGCTA
CTCTACACTACAGTATTTGGTCAGAGGAGAATTCGTGTCTCCACTTTATCTCTACCTTGACACCAGTATGCTGAAT
AATCTCTTCCGATCAGCTGACTTGGACACTCAGTTCGCATGTTTTCTGAAGCAAGCGGCAAATGAAGTACCTTC
ATCTCCACTCCTGCAAATTCGAGAACGTATTACAAATCTTTGTGTCAACGTTTTGCTTTCATACCGCAAGTATTG
TGCAACAGTATCATCATCTGGACAACCTCATCTTGCCAGAGGCTCTAAAGCTACTGCCACTTTATACCATTGCGT
TAATAAAAAGTACAGGTTTGAGAACTGAAGGGAGAATTGATGATCGATCTTTTTGGGTCAACCATGTTTCTTC
CCTCCCAATTCCTCTGGCTGTTCCCTTGGTCTATCCTAAAATGTTGGCTATACATAACCTTGATACGGAGGATG
GTGATTCAACTCCGGGTACTCCAATTCCTTTCCAGTGAGCATGTGAGCGAAGAGGGAATTTATCTTCTTGAA
AATGGGGAAGATTGTTTAATATACGTTGGGAACTTGGTTGATAGAGACATACTGCAGCAGTTATTTGGTATTT
CCTCAGTTGACGAAATTCGGGCTCAGTTTGTGCTGCAGCAGTACAACAATCCTCTATCAAAGAAACTCAATGAC
TTGATGAATGAGATACGGCGTCAAAGATGTTCTACCTACGCTTGAGGTTGTGCAAGAAAGGAGACCAATCA
GGGATGCTATTCTTTTGAATATGATAGAAGATAAAAGTTCTACTGGCCCTTCATACATCGAGTTTCTTGTTTCA
GTACACCGACAAATTCAGATAAAAATGTCTTCCTCATGATCTTATACTTCAGCTATGCAAGTTCTCATCTTCCTC
TGCTGCTGCCAGTTCGTCTGCTTCAGAGGAACTCGTTAACAAGAAGCCAGAGTCTCATGGCAAAGTGGAATG
AAATTTTCGGTATGAACGGCATTGATCAACAGTCCATTTCTCTTA

>trans_s_1382 AB181949|Glycine max GmChl 3 gene for Chlorophyllase 3, complete cds

GGATGAAAAATTGAAATCCAACTCCCACAAACCTCACTCCCCATCGCCATGGCTATGGCTACTGCTCTTTTC
CTCTCCCTTGCCCACCGCCGGCTCTGCAACTTTGTCAAATGTGTTGAGATCGGAAAATTCAACGCGGTGCTT
GAAAAGGTGCAACCGGATGGATGTTGCTCGTCTGGACGATTCTTCCGCCGAAGCCACTGCTGATCGGCCGG
CCTTCCGAAGCCGGAGAGTTCCCGGTGCTGTTGCTCGTCCATGGGTATCTCCTTTACAACACTTTCTACTCTCA
GCTCATCCATCACATCGCCTCTCATGGCCTCATCGTCGTCGCCCCCTCAGTTATACACAGTGGCAGGACCAGACG
CAAGCGAGGAAATCAAAGCAACAGCCGCCGTAATAAACTGGCTGCCACAGGTCTCCGGCAACATCTACCAC
CGCACGTCAACCCAAATCTAACCAAAATAGCCCTAGCCGCCACAGCCGCGGCGGCAAAACCTCTTTCGCCTT
AGCCCTACAGAAATCCCCAAAATTATCAGCCCTAATCGGCCTCGATCCCGTGGACGGAACAGGCTCCGGCAAG
CAAACCCACCCCCCAGTCCTGAAATACATCCCTCAATCCTTAGATCTAGGGATCCCGGTTCTGGTAATCGGGTC
CGGTCTGGGGGAATTGAAAAGGAACCCGTTGTTTCCGCCCTGCGCTCCGAAGGGGATCAACCACGAGGAGTT
TTTCAAGGAGTGTGGAATCCGGCGTACCATTTCTGTTGGAAGGATTACGGGCATATGGATTTGTTGGACGAT
GAACTGGAGGGATTAGAGGGAAGGTAAGCTACTGTTTGTGTAAAAATGGTGAATCTAGAGAGCCGATGAG
GAGGTTTGTGTTGGTGGGGCTGTGGTTGCGTTTTTGAAGAGTTGTTTGAATGGGGAAGAAGGGGATTTGAAAGC
CATTGAAGGTGGCGATTGATCTTGCCTGTTCTTCAAATATTGAATCTTCTCTGAAAATGGCTCACCGC
TGAGTAATTTCTTATGAAAAACATGTGGATCATCTTGATATTGAAATGGAAGGGGG

>trans_s_1383 AY059158|Arabidopsis thaliana AT3g26020/MPE11_17 mRNA, complete cds

GTTGGGTTCCAATCTCCCTTGTTTTCTCATCTTCTTTATCCTTCGTCTCTCTGTTTCTTTCTTCTAATTACAGGCGC
AGCTGGGTTTTTCTTTTACAGCCTAAATCCACATCCATGTCTTCTTTAAATATGTAATTCACAATTTCTTCTTTA
ATCTTGCTTCCTCACATGTTGCTTTTGCTGGAGATTTACGTGGGTCAATAGATCATGCCCAGATCTTGTTCTATC
TTGATCCACTTGCTTATCTTCTCCACCTTAATAAAGTGAAGGAGAATAGAGGAGGAAGAGAGAGACGAAGAG
AACGAGGTAGCTGAAAGAACTCTGTTTTGTGGAACAATAATCACATTGAGAACCTAATCAAACAGAACCGCA
AAGTCATTTTGCCGATTATATTTCTGCGCTGGAGAGAAATTCAAGAAATCACTGGAACCAGGCCGTACAAAA
CTTGACGCAAAATGTCCGAAAGATCTTCTCCGATGCTGACCCTGAGCTGTTTGACGAGTGTTTACTCAAATTC
AAGAAGAGGAGACACAAGAGAAGGATATGAAATCGAAGCGTGAGGCAAAGTGGAACGTTTAGAAGAGAT
AGCTGCCAGGAAAGCTGCGAGTATCGAAGCGGTCCTTGTCGCTCCCAAAGTAGCCTTACGAGCACCATCTGGC
TAGCTAACAAAGAGATCTTCAAATGGGTGTTGAGCAGATTTGATATTCCAAATTGGGTATGTGGGCATAAATCA
CCTCACCATAGGATCAAAAGCAGCAGCAGCAGCAGTTAAATTCATGGTCTCATTTTGGACAAAATTGGATTGA
GGTGCACTCAAGAAAGTTGACATTGCTGCTGCAATGCATTCATGATAAAAGCTCAAATTTTCTATTTTGCATG
CATTTTCTGTGTATATGTGATTGGGAGAGAAGGATTCGGGTTTGGCGAGCCGGGTATCCTTGGGAAATTCCTT
TTTTGTTGTTGAATGGGTGAAAAGCAGGAACGAAGTTCAATTTTTTCATAATTGTGCTCATCAGTATCTGGATG
ATGGTCCCTGTAGTTTCTGCTTCTGTAATTGAAGTTTTTCTTCTTT

>trans_s_1384 XM_002892615|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein,
mRNA

TTTTTTTTTAGTATACAGAAAGTGATGCTAAATATAGATACATATTTACATAAACAGCTGNAACAACAATAGA
GAGTGTGGAAGTTGGCCAACCTTGATGAAACAAAGCAAGTTGAAATTTTAAGCATTTTAAGCAGCTTCAGCAAA
CCCAACTCTCGAGTTTCCATAATCAAATACTGTATGGTAGGAACCCATGAAAACATCCCCCAAGATCCAGAGG
GGTCCTCGTGGAGGGGGAACATCCAAAGCTGCAAATCCACTGATGCATTACAGGTCCCTCGGTAACCTT
TGAGCACGTACTGCTCGGGCTTGAGCTCAAAGACCTTTCCACCAATAGTGAATGCAATATTAGGCAAAGTAGA
TAAGGAATCACAATCAATTACTGATTCTCCATTGGACTAGGCAACTTCTCGCAGAGCCCATCTATATAATTGA
GAATCTGGTCTTGTGTTTTCTCATCCTTCAGCTGGCTTTGTGCCATACAACCTGCCATCTCGCATGCATTGCACA
TAACATCACGTAAACCATTTGAAGATTTCTGGGTGGTGTTATCGACAACGCTCTCAGTGCCCATACTTACACCT
CGTTCCCATCAAAAGCACACAAGCCAAGCGTAGAGCAGATTTTCTTTGTTGATCCTTTGCTAACAGCATTTT
AATGATGGTTTCTCCATATTCTGCAACGACAGCCTTGCAATCCTCACTTACAACCCCGGAGGCCCAATGGCAT
GATTAACCTTGAGTAATAATAGTCGTTGGACCAGCCAACAACGAAGTTCCTGAATCAGCAATCGCTGAGCAACC
ACCAGAACAAAATCCAGTTGTACTGCCATTGATCAGGACATCACCCATATCAAACCTGCCAATATCCCTTTTTAG
TAACTGGAACATATGTATGTTCCCTTGTAGTGATCAGGATCCACACCACCAAAGACAATTTACACACCTTGT
TCCTCATCTGCATTTGATTAAACCAAAAAGAGAAAACAGGTTCTTCAAGGTTTTGATCAACCATGTTGTA
CCATACAGGCACTGCATCTCCAACCTGAGATCTCTTTAAAGCCAAGTCC

>trans_s_1385 DQ402076|Gossypium hirsutum 14-3-3-like protein mRNA, complete cds

TCGGACGGAGAAATTCGAGAACAGCTCCGGCCATGGAGAAGGAGAGGGAGCACCTTGTTTACTTAGCCAGA
CTTGAGAACAGGCTGAGAGATATGATGAAATGGTGAAATGATGAAGAACGTCGCAAAGTTGGACGTGGA
ACTTACTGTGGAGGAGAGGAACCTGGTGTCTGTGGGGTATAAGAACGTTATCGGGGCAAGAAGAGCCTCAT
GGCGTATTTTATCTTCTATTGAACAAAAGGAGGAAGGAAAGAAGAACGAGGTTAACGTGAACAGAGTAAAAAG
AGTACAGGCAAAGGGTTGAAGATGAACTGGCGAGAATTGCCAAGATATCTTAACTGTTGTGACAAGCATC
CTATTCCATCTTCATCCTCTGGAGAATCCAATGTTTTTACTATAAGATGAAGGGGGATTATAACCGATACTTA
GCGGAGTTTAAATCTGGCCCTGAACGTGAAGAAGCTGCAGACCAGTCGATGAAAGCCTATGAGTCTGCTTCA
AGCATTGCAAGTTCTGATCTGCCTCCAACACATCCCATCAGACTTGGCTTGGCGCTTAACTTTTCTGTTTTTAC
TATGAGATATTGAATCCCCAGAGAGGGCATGCCACCTTGCTAAACAAGCTTTTGATGAAGCCATAGCTGAAC

TTGATGGCCTCAATGAAGATTCCTACAAGGACAGTACCCTCATTATGCAGCTGCTGAGGGATAATCTCACATTA
TGGACCTCAGATCTCCCAGATGAGGGAGGTGAGCAATCTAAAGCTGCTGATGAACCTTGAGCAGAGGCAACT
AGCAAGATATTTGAATGTCTTCGGTCAGCCGATGGACATTTTCTTAAGTAATTCCTTGGAACAATTATTTACTA
GCCATATATATATATTGCACAGCTAATTACTGCTGACATGGTCTAGGAGGCAGAACTTATAGCTGTGTCACTT
GTCTTGCTTATCAGTAGTGTATCAGAACAGTAGTCTGTTATCACCTTGTAAACCATTACCTTTAAAAATTAAGTGA
ATCCGTTTAGTTTGAGAGTTATTAGCTACTCGATTGAGTGTGGTTGCAATATTATGCTTT

>trans_s_1386 NM_001062712 | *Oryza sativa* Japonica Group Os05g0539900 (Os05g0539900)
mRNA, complete cds

AGATGAAAAAAACCGTTGGCCGGAGTCATGTACATACTCTTGGGAACAGCGCCGCCGCCGACTTTCCTTCTGT
CCGCGCCGAACTCCAGACCGTTAATTTTGGCGTTCACAAACACTAGACCTCTCCACCTCAGAAATTCGTTTCTA
GGATATCCCTTTCATTTTCTTTTCGAAAAGGAAGCAACGTGCCACCGGAAACCGGCTGCCCTGTTCCGCCGGA
ACAGCTGCCGATTAACGAATATCAGACTCTCTCCACCTCTTCCCTTCTCATGGGCCGCTGGAGACATCGTTG
AGTACTGTTCTCGATTGGTCGCCACCGGCGCTTCCTTCGCTCTTTCATCGGGCTTCCGGTTGCTTGGTTCGGC
ACCGTGGGAGTCGAATCGGATCCGTTGAAACGATTTCTTTGCGCTGTTTCGAGTGGGATTTTGTTCGTCACGA
TTGCTGTTGTTAGGATGTATCTCGGTTGGGCTTACGTCGGTAACCGTCTCCTCAGTGCGACTGTGCAATACGAA
GAGACCGGATGGTACGACGGACAGATTTGGGTAAAAACCGCCCAAGTTTTAGCCCGCGATCGCCTCCTCGGT
TCCTACACTGTGAAGCCGGTGCTCAATAGGCTGAAGTACACCTGGTTAGCCTTGCGGCATCTCTGCTTGTGTC
CATTGTTGTGCTCATCAACATTGATGGAGGAGAATTGCTAGGGCCTTCTTCACCGGAAAATCTGCGGCGAAT
GAGGACGGCGGTAGAGTAGTTCCCGGTATTTATAGCGATGAATCCGCTAGATCTTTCGAACCTGATGCGTTCT
GTGGACCTGGGGAACCTTGATCTTCTTCATTGATCTTCATTCTAATTCCCAATTGTTTGATTAATGTTTTCTTAAT
ATATCTTTTAAACCATAGTTTCATACGCAATTACACATTGGTTATTGTAGATAATTGATGATTATTGTAGTGATT
GGAGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1387 NM_127612 | *Arabidopsis thaliana* FLA6 (FASCICLIN-LIKE ARABINO GALACTAN 6)
(FLA6) mRNA, complete cds

AGCTCATTCCCAACCAATCCCATCATCCCCACTTCCAATCTCCCCTTTAATATATAAATCATCACTTATCTCCTCCT
CTCCTTCACTCCTATATCCAACCTCCTCCGCCATGGCCTCCCCGCTCTCCTCCTCCTCCTCCTCCCCTTTGCTC
TCTTCTCCCAAACCTCGCCAACTCCGGCTGCACCGGCTCCTTCTCCTCCTGGACCTATCAACTTAACCGGCA
TTTTGTCCCAAGGCGGCCAATTCAGTACCTTCATCCGTTTGTCTCAATCAAAGCAGATTAATTATTCAGCTTGATA
ATCAGCTCAACAATTCTCAAGGGGAAGGATTGACCATTCTTGCTCCAACCTGATAATGGCTTCAATGCCCTTGAA
TCCGGCGCCCTCAACAGCCTTGACGACCAGCAGAAGAGCCAGCTCCTCCTTACCACGTCTTGCCTAAGTTCTA
CACCTTGACGGAGCTACAAACCATCAGCAATCCGGTAAGGACTCAGGCCGGAGATTGGGGGCTGAACTTCAC
CGGCCAAGCGAACTCCAACCAAGTCAACGTTTCCACCGGCGTTGTACGGTACCTATCAACAACAAGCTCAGA
GAGCAATCTCCATTGTCCGTTTTTGTGGTAGACAAAGTTTTGTTGCCAGAGGCTCTTTTTGGCAACCACACTGC
CGCACCACTCCTAAAGCTCCGGCTCCAGGGGCCGATAAGGCACCTGTCGACGGCGAAACACCGCCAAAATC
CGATGCCGCAAAGCCACCGGCTAACGATAAGGGTGCAGCTGCGAGAAACGGTGATAGGATTGGGTTTAATTTT
GAGTTTTGGTTTGATTGTCATTAGTGTTGTTTCTTAAGATCATATATGCTTTCATTATTTTTTATTTTTTTATTTTATTTTCTGT
TACTGTTTGTCTTTGTGTGCTTTTCTTGGCATATATGCTTTCATTATTTTTTATTTTTTTATTTTATTTTCTGT
AATTTTGACATTGAATTATTATTTCTTTTCATAATTTATATGCATATAAATTGAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1388 BT005843 | *Arabidopsis thaliana* At1g09740 gene, complete cds

GGCGCGCTCAGGGGCCGTACGTTCTGCTGCAGAACCTTCCCGTTCCCGCCGCAAAGAAAGTCACCGAGAGG
TTGGGAATCACACCGGCAAATCATCATCCACTCTCGGAAATCACAATCTTTGAACCATGTCTGCGGATCTCCGA
TGCGTGATTGTGGCCGTCGACGGCAGCGAGGAGAGCATGGACGCTTTACGGTGGGCGTTTCAAAATCTCAAG
CTCTGTTTCATCAGGGCCGGATTCCACCGACGGCACTTTTGTGTGCTTCATGTTACAGCTCCTCCTTCGATCGCC
GCTGGTCTCAGTCTGCTCCAATCCCCTTTGGTGGTCTAGCGATCTAGAGGTTCTGCTTTCACAGCAGCGAT
TGAGTCGCATCAGAGGCGGATTACAGCTGCGATACTGGAACATGCTTCACGGATTTGCTCCGAGTATCAAGTG
AAAGTGGAGACTAAAGTAGTAATCGGAGATCCAAAGGAAAAGATCTGTGAAGTGGCTGAGAATTTGCATGCT
GATTTGCTAGTCATGGGGTCCCGTGCTTTTGGTCCCATCAAAGGATGTTCTTGGGAAGTGTAAGCAACTATT
GCACCAATCATGTAGAGTGCCAGTCATCATAGTCAAGGACAAGAAAAAGGGAAGCTCGTCTTCAGCTTAATA
GATTGCAGGTTTCTTTTTTCTTTTTTTTGTATGTGTGCCTGTTATCGATGCTCTGAAGTGTCTGATTTCATCA
ATTGTTGGCCTTCTGCTTCCCTTTCTGCTCTTTGTATGTGCATAGGCGTTGCAGTGTCTTGTGTGAGCCATCT
TGTGCCGCCATATTCATTTTCGTCGGCAAGATATCCAAACAGTAAATAGTAAGTTTCTCTGTTTCTGTATACAA
ATAATTTCCATGGCCTGGCTACTGAAAATTGTCCTGCCTTTTGCCAACTTCTACTTTATTGAGTAACTTTTGTGT
GTGATTCTTTCTAAATAATGTCCTGTATGTCAAAAAGTTGGATTGGATCTTTTTGTTTCAAATATTTGTTGTAA
AATTCATTTTATGTGCCTCCACTCCTGGACATTATTACCTTTTT

>trans_s_1389 XM_002300982|Populus trichocarpa histone acetyltransferase (HAG902), mRNA

AAACGAAAAATAGGAGGCCAGGCCGCTGCTGCCTACGACGGTTTCCGTGCTCTGCCTTCGCCTACGAATCCC
CAAGCTCGCGATGGGATCCATAGATGTCCAATCAACCAGCGCTGAAAATGGATCCGCCCCCGCTCCTCTGCT
GATGGTCGTCAAAGTCCCTTCTCACCGACGGTATGAACCACATATCTAACGACCCAGACGGAACGCCCCCTG
ATAAGCCTAAGGAGTTGGGCCGACCAAGAAACGAATGTCCTCCATGCTTCTCTGGATGTCGGGACCCGTGT
CATGTGCCGCTGGAGGGACGGGAAGTACCATCCCGTTAAGGTCATCGAACGTCGCAAGTTGCAAGCAACTGG
TTTCAGTGATTACGAATACTATGTCCATTACCCGAGTTCAATAGGAGACTTGATGAGTGGGTGAAGCTTGAC
CAACTTGATCTTGATTGCGTCGAGACGGTTGTTGATGAGAAAGTCGAGGACAAGGTAACAGGACTGAAGATG
ACCCGGCACCAGAAGCGGAAGATCGACGAAACCCATGTTGAGGGCCATGAGGAACTTGATGCTGCCAGCTTG
AGGGAGCATGAAGAATTCACGAAAGTGAAAAATATTGCAACAATTGAACTTGGAAGATATGAGATTGAGACA
TGGTATTTCTCCCCATTTCCACCAGAGTACAATGACACTACAAAGCTCTATTTTTGTGAGTTTTGTCTCAACTTC
ATGAAGCGCAAAGAACAACCTCCAGAGACATATGAGGAAGTGTGATCTGAAGCATCCTCCTGGTGATGAAATA
TATCGATGCGGTACTTTGTCAATGTTTGAGGTTGACGGAAAAAGAACAAGGTTTATGGGCAGAATCTGTGTT
ACTTAGCAAAGTTATTTCTGGACCACAAGACTCTCTACTATGATGTTGACCTTTTTCTGTTTTATGTCCTGTGTG
AGTGTGATGATCGAGGGTGTCACATGGTTGGATATTTTTCGAAGGAAAAGCATTAGAGGAATCCTATAATTT
GGCATGCATTCTCACCTTCTCCTTATCAAAGGAAGGGCTACGGGGAGTTCTTAATA

>trans_s_1390 NM_125056|Arabidopsis thaliana peptidase M16 family protein / insulinase family
protein (AT5G56730) mRNA, complete cds

GTTCTGCGTTTCAGCATGGGCAGATCTATTCTGCTGGGGTCTCAGTATTTCTTGGAGGTAACAAACCGTCAAG
AAGTGGTCCTGTTCGTGGTGATATTAGCATAAACTTTTCTTGTGACCCTGAAATCTCATCGAAGCTGGTTGATC
TTGCATTAAATGAAATATTACGTCTTCAAGAAAGAGGGCCAACGGATCAAGATGTTTCATCTATCCTAGAGATT
GAGCAGAGGGCTCATGAAAATGGACTGCAGGAGAATTATTACTGGCTGGACAGGATTTTACGCAGCTACCAG
TCAAGGATATACTCTGGTGATGTTGGATCATCTTTGAGATTGAGGATGAGGGACGTTTGAATGTCCGAAATT
CATTGACACCATTGACAGCACAGTTGGCACTACAGAGGATACTTCCATTTCTTGACAAAAACAGTAACTGCA
GTAATTCTATTGCCAGCATCATATCGGTTGAGGAACTGAAATCATTCTCCGACTTGGTCTATCAAGTCTGG
AAGAGACGCAAAGATTTTAGTCGGCCTAGCCAGTGTAGCAGTTTTGACTTTCAGCTTATAGAGATATTGGAGT
ACTAACAAATCCTAGGTTAATTCAATGCGCTTTGGGTTGTATCAAGTTACATTCTCCCGTACATATTGTGATGA

ATTGTTGAGAATGAGGGACATCAACGGAGCTAAAATTGTACAAATGGAGGTTCCAGGTATCTTCCGCTAGAA
GTATAATTTACGGCATCACCATTACCGCTGACTTAGAAGACAAAAGAGTTGATATATTCAATAACTCTGTGGA
AGAAATTATTATAATAGATTGAAGAGGCAATGGCCAGACTCACAATTACCTGCAACATTTGGAGATTCTTTCA
AGTGGGGGTCTTCGTTTGCTTCTGTTTAACCCATTCATTTCTTCAACTGGAGGTTCTGTTCTTTCTTTAAATTTG
TTATAGATTTGGACACAGTTTGTTCCTCTTCATGGTAATTGTAGCCGGATGTATTGAACCTGAACAGGG
GCTTTGAAAGTTCTCTCATCTTTGTAAAAA

>trans_s_1391 NM_101815|Arabidopsis thaliana GAMMA CA1 (GAMMA CARBONIC ANHYDRASE 1);
carbonate dehydratase (GAMMA CA1) mRNA, complete cds

GGGAAAACGATGAACTCTTCAGCTATGGGCTGTTCTTCTGATTCTTACATTCCTCCATCTATAATTTAAAGCA
AAAAAACTGTGGACTGAGGAAGAAGACGAAGAGCATTTGTGGAAGATGGGAACATTGGGAAAGGCAATCTA
CACCGTCGGATTCTGGATCCGGGAAACCGGCCAAGCCCTCGATCGTCTTGTTGCCGCTTCAAGGGAATTAC
TACTTTCAAGAACAATTATCTAGGCATAGGACACTCATGAACATATTTGACAAGGCTCCCGTCATCAACAAGG
ATGCATTTGTGGCACCTAGTGCATCTATCATTGGTGATGTGCAGGTGGGACGAATGTCCTCTATTTGGTATGG
GTGTGTTTTGAGAGGTGATGTTAACAGCATCAGTGTTGGTCCGGAACATAACAAGACAACCTTTAGTTT
ACGTAGCGAAATCTAATTAAGTGGAAAGGTTTTACCGACTATCATTGGAGATAACGTTACTGTTGGCCACAG
TGCTGTGTTACATGGATGTACTATTGAGGATGAGGCATTTGTGGGGATGGGAGCAACATTGCTTGATGGGGT
GTACGTAGAGAAACATGCAATGGTTGCTGCTGGAGCACTTGTGAGGCAGAATACACGAATCCCATGTGGAGA
GGTTTGGGAGGCAATCCAGCCAAATTCCTGAGGAAGCTTACAGAAGAAGAGATGGCCTTTATCTCCAGTC
AGCCATAAATTATTCCAATTATCACAGGTTTCATGCAGCTGAAAACGTAAAGAGCTTTGATGAAATTGAATTTG
AAAAGGTTCTTCGAAAAAGTTTGCTCGCCGTGATGAAGATTATGATTCAATGTTGGGTGTTGTTCTGTAAC
CCCCTCAGAGCTTATCCTTCAGATAACATATTGGCTGACAAAGTAGCAAAGTCTTCTTAAGGAAAATTTCTAA
TGTAGGTAACCAACCACATAAAATCTTCCCTTTGAAATGTTGTGCTGATTCATAAAAGACACGACTTTTCA
CTCAATAATATATGGAGGTTGGATGAAAGAGTGAATGAATGCCATTAATCACG

>trans_s_1392 AF428345|Arabidopsis thaliana AT3g54190/F24B22_150 mRNA, complete cds

GAAAGTTTTAACCTACTCTGCACAGGATAGTATATACAAGGTGTTTGACCTGAAAACTATACCATGCTTTACT
CTATATCAGATAAGCATGTTCAAGAAATCAAGATCAGCCCTGGAATCATGTTGTTGATCTTCAATAGAGCTAGT
AGCCATGTTCTCTTAAGATTCTGTGATAGAAGATGGCACAGTTCTCAAAGCTTTCAACCATCTGCTTCATCG
GAACAAGAAAGTTGACTTCATAGAACAATTTAATGAAAACTTCTTGTAAGCAAGAAAATGAAAATCTTCAA
ATACTTGATGTTGCAATGCTGAATTGATGGAAGTTAGCAGAACTGAATTTATGACCCCATCAGCATTATCTT
TCTGTATGAAAACCAATTGTTCTGACATTTAGAGACCGAACTGTGGCTGTCTGGAACCTCCGTGGGGAGCTT
GTAACCTCGTTTGAGGATCACCTTTTATGGCATCCAGACTGCAATACCAACAACATTTACATCACTAGTGATCA
GGATCTCATTATATCTTACTGCAAGGCTGATTCTGATGATCATTGGATGGTAGGAAATGCTGGTTCTATCAACA
TCAGCAACATCTTGACTGGAAAATGTCTAGCCAAGATTAATGCAAGCAACGGAAAACCCAAGGTCAACGACA
GCAGCAGCAGCAGCAGCAGTGCTGGCAGCTCGAGAAAGGTTTGCAACTCTTCACAGATGAGAAACACGGTTG
CAGAGGCTTTGGAAGATATTACCGCACTTTTCTATGATGAAGAGCGTAATGAGATATACACTGGCAACAAGAA
TGGTCTAGTACATGTGTGGTCTAACTGAAGACCACATTTTTCTTTTAAATTTGTTTTTTGTTATTTTTTCTCT
TTTCTGAAGTTTGCTTTGACATTGATCAAATGATGATTTGATGATGAAGATGAAAGGCAGTTTCATATGTAGA
GCTCCAATGCCGAAAAGTTGATGGTAGAATAATAGGTTGTGTGAGTTTGTGGAATAGAGAAAGCTTTGGTT
GCATTGTAACATTAAATAGATTTTAATGTGTTATGTATACTGATTGTAAA

>trans_s_1393 NM_106276|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family
protein (AT1G76260) mRNA, complete cds

TACTGTTTGGTTCATGTTGTTAGGTTGCGTTTTATACTTATCTTCCATTTTTGTTTTCAATTTTATTGTATCAGTT
TCCTTTGTGAAGTCTGGGGCCAGTTTTATTTTAAATTTTATATAAAAGTTATAAACTAATTGTAAACAATCAAATC
CCTTGAAGTTGATTCACTAGTGAACATAATTTATTTAGTACTAAGTTGTTCAACTTTTCAACGTATCTTTGAGTCA
ATGACACAATGTTAACGATTGCAAAGTGCTGGTACTGATTCTGCTGTCAACTTATGGTTGGCATCCATGTCTGA
TGATGAACTAAAATCTGAAAGGAAGGTCGATTCATCTCCACGGCAAGGTGATCCATTATTGCATTCTTACAGC
GACTACGAAGACAGTGTATGTCCTTGGTGGAGCTTTCTGTGAGCCTTGGATCTTCGCATCACTGTCCTACGA
TGGGAGGGTTGTTGTTGAATCAGTGAAGCCTTTCTCTCAAGATAATGGAGTTCATTTTAGATCTTTCTCAATA
TCGATTGCTTCTCAGTCTGATTGAGAGTTTCTCATTACGGCAACTGGACTTGCTATAACCTTCTCTCAAAGCTT
ATCTCTCTCCATCAGCGAGACTAATTGTTACTGAACGAAGCCTCACTCGTCTTTTCCACATCAGCGACGAGATT
GAGAGCGTGAGGACTTGTCAGTAACAGAGAAAGAGAACTACTAGGGAATACTTTTATTGTACTGAGAATAT
CATAGCTGTTATGAACTACCAAGTCACATCTTCTCTATCATGTATTGTTTTGTTGTGTTGAACTTGCTCAACAA
CTAACGCACATAGATTAACTTTCAACTAGAAAAGAAAAATAACGTTATACATTTTGATTTCTCTTGCTTTGGA
TGCCTATGTTGTTAGGCGCAAGCACAGCTGGGAAACAAGAACATCCAACCATCTAATCTGTCTGAAAAGTTTT
TCCCACCGACACGAATTGGTACGTGTCTTACTGTATTGCCAATCTCTGTCAAATAAAGTAGGCAATGATTTTC
GCTCTTACTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1394 NM_104184|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G53050) mRNA,
complete cds

CACCGCCGGAGAATTATTGGAAGAAATTGCAGTTACCTCATTCAACTGGATTCAAGACAGCTCAGCCATACCG
ACGTTGTATTGGGGAAATGTTGAAGGACTTCCCATCTTCTGTGGTGGCTCTTGTGGATAAGTTGCTTCCATAG
ATCCTGCTCATCGGGGAACAGCAGCTGCTGCTCTAAAGAGCGAGTTCTTACAATAAACCATTGCATGCGA
GCCTACAAGTTTGCCCAAATATCCTCCCAGCAAAGAGATCGATGCAAAGTTCCACAGCTGCAGAAGGCAGTCG
AGAGTTGAGGGCAAAGACCCTAAAGATTATGGGGAAGGGAGGCGACCAAAGAAGCTCACCTTAATCTTTCT
CTGAATGCTAAGGATGAAATAAACATTATGCAGAAAAGGCAAGGCCATTCAAGTTTAAAGGGCCGGAGTGTT
GTGTTGTATCCTCGTGGGGATGAAACAGTTTCTGGTTTATTGAATGCTCCGCCCAAACAATCTGCCACAGAAAT
TTGCTCAGATACAGGCAGGATTTACATTACAGGACCGCTAATTAGCAAACCAGATTGGATGAAATCTAGAAAG
CAACTCAATGACCATTGATGGCACTTGACGGATCCAATCTCTCAGTATTATCTCGTTTAGTAGCAACGAGGTC
TAATATATCTGATCATCCCCATGATAGACCAGGTCCATCACGATCAGAAGTAGGCAGATTGCCCGACTTCGTTA
GGGATTGAGAGTCAACGAGAAAGCAGGACCGGATATTTTATACACACCGAGTTGCAGATTCATATCGAGTAG
AGAATGAAAAGGCATGTGCTAAAGAACAGTCCCTGCTTGCTTATGGGACAGACATGAATAAGCTTTATACTTC
TGGCCCAATCCTTGGTCCATCAAACAATTGGATAGAATTCTAAAAGAACGAGACCGTCAGATTCAAGAATAT
GCTCGACAAGCACGACACAGTAAAGCTGGTGACAATCAGTTAAAGGGTTCAAGAGCAACAACCTGGAAAACAT
CTGATGTTGAGCCATGGGATGTGAGAAAGATTACAGAAATTGCTTGACCCGGCAAC

>trans_s_1395 EU373036|Gossypium hirsutum gland development related protein 45-like mRNA,
complete sequence

CTGGAATACCTGCACATGCTTGGGATTGTGTACCGTGATCTTAAGCCAGAAAATGTCCTTGTGAGAGAAGACG
GACACATAATGCTTTCAGATTTTGACCTATCTCTCCGTTGTGCTGTTAACCCGACTCTGGTCAAAAATCTCTCGG
CAGAGTCGGAAGCTTTGAGAAAGAATACAGGTTACTGTGTGCAGCCTGCTTGCAATTGAGCCGTCCTGCATCCA
ACCATCTTGTGTAGTTCCTACAACCTGCTTCTCACCTCGTCTCTTTTCTAGTAAGTCAAAGAAGGAACGAAAACC
CAAAATTGATTTGGGAAATCAGGTCAGCCATTGCCAGAGCTCATTGCAGAACCAACCGATGCCCGATCCATG
TCTTTTGTAGGAACTCATGAGTACTTGGCACCTGAGATAATCAAGGGTGAAGGCCATGGAAGTGCTGTAGATT
GGTGGACTTTTGGAATTTTCTATATGAGCTACTATTTGGTAAAACCTCTTTTAAGGGGTCTGGAAATCGAGCT
ACATTATTCAACATTGTTGGTCAGCCTCTTCGGTTTCCAGATGCACCAGTTGTGAGTTTTGCTGCAAAAGATCT

GATAAGGGGATTGCTAGTGAAGGAACCACAACAAAGATTGGCTTATAAACGTGGAGCAACTGAGATCAAGCA
GCATCCTTTCTTCGAAGGTGTAAATTGGGCATTAATACGTTGTGCTACTCCTCCTGAAATCCCTAGGCCGGTCTG
AGATTGAGAGAATACCACATGCAGTAGCATCAACCAGTGAAAAGGCCGTTGCAATTGCAGCAGCTGCTGCAG
ATAAAAAAGCTTCCGATAATTATCTCGAGTTTGATTCTTTTAGAGAGAAATCCATACACTTTATAGAGGTGTTT
ATCAATGAAAGCCTGCCTAAAACATTTCTGTTTATGGCAGGGGGACTAGTGAGGAAGAAGCATATTGATAGA
TGTTGAAAACACTGTAAGTTTGTTGTTGTCTGTTGACAGTTTCAAATTGATGTTGCACAAGTATTGGATGAATT
CTTTTGCTTTCTCCTAAAGGCTCGACTATTTAGAATGTACATCTTTAGCT

>trans_s_1396 AF233297|Nicotiana tabacum lipid transfer protein gene, complete cds

TGACTCAATGGGTGGACCATAATGATAGAAATTAGATGAAATGACATATCATCTAGGATTTGATGATAAGGA
GTTGGAATTCCTGTCATGTTTCGTACAAAATAGAAATGGCACCACCCACCATCCACAAAGATTTGGTGATGAG
GTGAAATTATGTTAGTGATTACATCACCTAATCCAAATATCTTTCAACTTTAAAACTTTGAAGCCACAGTAT
TATAATCTGGACAAAAAATTAACCAGGAGTCATGTCTATGTATCATTATCTACTTTGCTAAATTCAGATTGGTTT
GTGACCTTTTAAATTTCTGCAATTATTAGTAGGGTCGGATTAGTTAAAGTCCAAGGGGTTCAAACCCCTCA
ACTTTATATACTCTTTATATATGTATACATACATATACATATATTTACTTCGAGCTTCTTCAATTATATATATTACA
AATTGCCATAATATCAAAAGTGTTAGCCCAATAGTATATCCATCTTCCAGTCCTTTTTAAAGTTTTATATAAAGT
CACCGTCAACAAAAAAATTTAATGTCATTGATTGTCAGTCACACATTGAGTTGAGTAAGTTTTATGAGGTACA
TTGGAACCTCAGAAGTAGCCAATGCTCTAATCCAATGAGTTTCCTTTTTGTTTTGTATAGAGATTAAACACTTTAC
TGACATCAGCTTGTTCAAATCAACCAAAATTATCTAATTGAGTACACCTTGTTAACCTGCTTGAATCAAGTCAAA
AGATTATATATAGATACGCCTTGTTAACTATTGAAAGCACATCCAACCATCAATTACCTTCTAGCAGCTAATCA
AGATAGTTTCCTCGAATACAACATTGAAAATATATATTGGGTTACACTCTACCTAGCTGTTCCGTTATGTGAA
AATCTAGTCCTTTTTTTCTTTTTCTTGAATAATTATTAGAGTTTTTTCTATTGATGGTTGGGGTGAAACCACAAAA
AGATGAGTACTTTTAAGTATTGGATGTTATGAATGCACTTCCTCAAAGTGATGTGGCTGTCATGGATTGGACA
ACTAGATTTGGATTAACTAAACAAAATAACCTTCAG

>trans_s_1397 BT005833|Arabidopsis thaliana At3g09720 gene, complete cds

CATTGAGGAAAAATGAAAGAAGTTTTTGCCATATCATTTTAAAGACACAGAGACTAGTTGAAGTGTTTTTAAAT
CTTTCATTCTCGGTCTAATATTTTTACTTGAATGCAGCGAGAAAATGTTGTTGACGATTTAGAGCTGGAAAAA
CTTGGGTTTTAATCGCCACTGATGTAATTTCTCGAGGAATGGATTTCAAGGGGGTCAACTGTGTAATCAATTAT
GATTTTCCAGATTCTGCGGCGGCATACATTCGAATTGGTATGTGCCTTATCTTAATGTTACGTTCTTTTGTC
TCTAACTTGACGGTGACATAATCCATAACGATGTTAAAAGATTCTGGTTAACATGACTACTTAGTTGAAATT
GCATTTTCAAATAAACTGGTCGTTCCGGCAGAGCAGGAAGGAGTGGAGAAGCCATTACATTTTATACAGACG
AGGACATCCCATTCTGCGAAATATAGCCAATGTTATGTCAGCCTCAGGTTGTGAAGTCCCATCTTGGATCACC
GAGCTTCGGAAAATGAAGTGGAACCAACAGGCCGAAGAGAGATTCAATCTCAACCAAAACCAATGAAGAT
GATGACACTGAGCCACCAAAAAAGAAGACGAAAAAACACAGGCCTAAAAGGAATTCAATCGCAACCAAAACCA
AATCAGGATGGTGACACCGAGCTAAAGAAAAAATTTCAAGAAAACTCAAGCGTAAGAGAGATTGAGACTCA
ATAAAATCAAAGGATGGCGATGACGCTGGGCTGCAGAAAAAGAAGTCGAAAAAACACAGGCATAAAAGAGA
CTCAGTGTCAACCAAAACCAAGAATGATGACGAAGCCTAATTTACCTGCTACCTCTTTTCGATTTTTCTTATCAA
AACTAAGTATTCCTTAGGAAGTTTTGTCCAATTATGTGAAAACTGTTGATTATACCAATTTGACTCTTA
AAACATGAGGTGCAACGGCGGAAGTCTATTCTTTAATTACAAGAATTTGTAGGCCTACCTGAAGAATTG
AAGATTTATAAATTATACTTGATCGACTTTGGTCCTGGACGTAAAAAAA

>trans_s_1398 U66269|Nicotiana tabacum ORF mRNA, complete cds

AGGAGCGTCAGAAAGAGAAGAAAGGAGAAGTTTTTCAGACACCCAGAGAGAGAGAGAAAAGAAAGTAAGAAAG
AAATTTACTTTTCTTTTCTTTTCTTTCTTTCTCTCCCTTTTCTTCTCTCGAAGTTTCCGTTGTTCTTGTCTCC
TCTTCTCCGGTTTCCAAATCTCTGTCGGGCACGAAATCGGAGTTCTGTTTCTTACAGAAATGGCTTTTATTTCA
TTTGTGCGGAAGAGTTCTCTCGTTTCCGTCTTCGTTCTCTGCTTGGCAAGAGTTCAATGATTTTGGTACTGAT
GGAGGACCGGCGGCCAAGTATCTTAAGCCAAAATTCAACGTTTTCACTCGCAACTTTGAATCTCACACTGGGT
TAGAGTTCCTAAAGTTGAGATTCTACATCTTGTGGCTGGTGCCCTTGTACTGAAAGGCCTTGGAAGCCTGCTC
TTCATCTTCAACAGCTCCATTGGAGCATTTCTTCTGATCTTGCATCAGGCCATTACCACACCCATCTTGTACGAT
TTCTACAACACTACGATGTCGAGAAGAAGGAATTCAACCAACTTTTTGTGAAATTCACCTCAGAATCTGGCATTGTT
GGGAGCATTGCTGTTCTTCATCGGCATGAAGAACTCGATTCCAAAGAGGCCAGTGGGAAAGAAAAATCCCAA
GTCCAAAACATCATAGATTATTGAGGAGGAATGAATGGATCAACTGAGAGGGGGGAAGAGGCGTATGTTTTT
CTTTTCTGTAGGACTCTTTTTGGAAGTGAATTGAACACTTGTATGATCATCTCTCTTTTAGTTTTTTTTTCTTTAA
ATTTTTGAATCAGTAGGGAAGTAAATGGGGTGGGCTGTACTTTGTTTTTTGTATTTTGAAGATTATGACGA
TATCTTCTATGGAGTTTGAGGATATTTTGTATCTTCAAGTTAGGGGTGTTATGTGATTGTAATGAAAGTTCT
TTCACATAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAGAAAAAAAAAAAA
AAATCAAATAACCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1399 NM_111398|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT3G05250) mRNA, complete cds

TGGAAGTGTGTTCACTGTAAACCCATGTCGGAGAAGTCCATGGAATTGCAGAGCGCTGCGTCAATGGAGATT
AAGACAAGCACTTCCACTTCGGACTATACGGACCCTTGCCCGATCTGCCTTGGACCCATAAATCAATCTTCCTA
TCTCGACAAGTGCTTTCATAACTTTTGTTACAATTGCATTGTACAATGGACCAAAGTGGTTTCTGGGAAGCGCT
CCTGCAGACTTTCCTCCATTAAATGTCCTTTATGCAAGACAGAAAGTTCATCTATAATACATGGGTAGATGGA
CACCATTTCCAAAGACATTATGTTAATCCAGATTTCCAGGATAGCTTTATCTTATCAAAAGCTCATAAGTATAGA
TTACAGTGCTACTATACTGAACCAAGTTCGTTTTTTGTTTATCGTTCAACTTATTATGTGATGATGCTCCAACATT
TACATCTGGTTACTTGGATTTGTGAATTTCCCTAATTGTCTGCATGTAGGTTTCTTGAATGACATATTTGATGTA
CAGAGGTATTGGAAGTTACAGAAGTATCTCCAGGCAAACAGTGGCTTGAAGTTTGGTTGAAGAGGGAACTT
CAAGCTTTGATTGAGGAAGAAGATGTTGACATAATTATGCATCACTTTGTTGGTTTAATTAATTCATTTTTTCGT
AGAAATGAACCTAAGTATCAAACAGAACTCCTGAACTGAAGAGGAAGAGGTTTAGCCAAACGATTCTTGAT
GCTGCAAAGCCATTCTTTTCGGCAAGAGCTGATCGATTGCTCGAGTTGGAGCTATTTCTTGCTTCAGGTTT
GAACATTGAAGCCTATGATTGAGTTTACTTGCAACGGTTGGGTTGGAACGAGCCTATAGTGCTGAGCGTGGCT
AACGAAGAAGATCTTGGACTCAAATCTGTAACCTCATACTTGTATATCTTTGACAATGACCCTGATGATGATTA
AACAAGCTCTTACGCATTTTAATTGTTTTTGTGAAAGTAAGTCTTGTGTTATCTCCCCACCTTTCAGTACGAATA
TAATTAAGTTGGCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1400 AY705500|Coffea canephora x Coffea congensis microsatellite CofEST-SSR05
sequence

CTCGGCAACGCTGTCGTCTCCAGTTGTTTCTCTCTAAACCCCCCGGCGGAAGAAATTTGCTCTCTCCTACCT
CGGCGAATTTGACGTTACGCGAATGGATCCCGACACGCTGGCTAAAGCATTGTCGATCATTATTATTCCACT
TTCGACGCCAATCGAGCCGGTCTTGGAATCTCTACCAAGAAAATTCCATGTTGACGTTTGAAGGTCAGAAGA
TCCAAGGCTCTACTAATATCGTCGCCAAGCTCACTAGTCTACCTTCCAGCAGTGCAAGCACAACGTTAGCACC
ATCGATTGCCAGCCTTCTGGTCCTTCTGGTGGCATGCTCGTCTTCGTGAGCGGCAATCTCAACTCGTTGGTGA
ACAACATGCTCTCAAATTCAGTCAGATGTTCCATTTGATGCCAACCCACAAGGAAGCTTCTTTGTGCAGAACG
ACATTTTCCGATTGAACTATGCCTGAAGTTGAGAGTAATCCATGGTGTATTGGGAGACCTGAAATGTCAGGTT
ATTCAACCAGTTTGTATACCGTTCAGTTTTTTAGACATTTCAAATTGGAAGTGGATTATATTTTATTGTGCT

>trans_s_1401 NM_001161197|Arabidopsis thaliana GTP binding (AT3G49725) mRNA, complete cds

>trans_s_1402 EF464672|Gossypium hirsutum 26S proteasome regulatory subunit mRNA, partial cds

ATTGGACTGAATAACGACTTGAAAGTTCACAAATTTGATTTCTGTCCACGCAAAACCTTCATCGTTTGAGTA
TCCTAAACCGACCACTGTGCCTGCCGTACGTCTGCCGTAAACTTCCAAGTGCAGTTTTGTCAACTTCAGCGA
AGGCTAAAGCCAGGGCCAAGAAAGAAGCCGAACAAAAGAACATTGCAGAAAAGTCTGCTTCTGAATCTTCAT
CCACAGGTTCTAATTCTGCTAAAGGCAAGGCAACAGCTGAGAAGGATGGCGACTCCATGCAGGTTGACAACC
CACCTGAGAAGAAAGCAGAACCAGGAGCCCTCCTTTGAAATTTGACCAACCCAGCTAGAGTGGTTCCTGCTCA
GGAAAAATTCATCAAATTTTAGAGGACAGCAGATATGTACCGGTGAAGTTGGCTCCTTCAGGTTTCGTTCTAC
TGAGGGATTTGCATCCTTCTGAACCTGAGGTCTCTCTTAACGGACACTCCATCATCAACAGCATCACCTGCC
AGTGGTTCAGCAACCGGGCAGCAAGGCTCAGGATCAGCCATGGCTGTAGACGAGGAGCCTCAACCAACCCAG
CCTTTCGAATACACATCGTGATCATCTCAGCTGTTAATTTGTTTTACTAGAAGACATTGCGGAGCAAACTGGG
CAGAAGTAAATGCAAGATATTATTTAGAGTTTGTTAGCTCGACATGCTACCGATGCCTATGTATGAACTGGA
TTTCTTTCTTTTTTGTTATCAATGTTTCAGATTCTAGAAAGATGGGAATGAAATTGTGTATGGAAAGCTAAAG
CCACTCTATGCTCAAAAGTGTTTGATGCATTTTGTAGTCGAGACATTATTATCGTCGCCGAGCGTCTCGGTGAC
TGAAGAGCTCAGTGATACTTCTTTACCACCTGTTTAGTTCTTTTTTCTCCCTTCCCATCTGTTTCCAAATTAAT
CCCCTCATTTGGGAGTCAGCTATGCAATTAACAGGGTGGTATTATTCCATTCCCCTTGCCATTTGAGATATT
GATCTGGCTACTTTGTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1403 NM_102828|Arabidopsis thaliana molybdenum cofactor sulfurase family protein (AT1G30910) mRNA, complete cds

ATCCAATCAAGTCATGTCGCGGTATTTCAAGTCCCCAAGCACCTCTTACCCCTACTGGATTTCGATGGGACCGT
CAATGGTTGGTTGTCAACTCTAAAGGAAGGGCTTACACTCAGAGAGTCGAGCCTAAGCTTGCTCTCGTCCAGG
TCGACCTCCCAAACGAAGCTTTCTTCGATGACTGGAGCCCTTCTCAATCCTCTTTTCTTGCTAAACCCCTTTCTC
TTTTGGCAGTCATTAAAGCTCCTGGGATGGATGTCTTAAGGGTTCCCTTACTCAACCTCAGTATAATGCTGA
TGGTGTCTCTGTCTGGGAATGGTCTGGCTCTGCACTCGATGAGGGAGATGCTCCATCAAAGTGGTTTTCAGAT
TATCTTGGAAAACCCAGTCGTTTGGTGCCTTTAATCCAGCTTCACAAACAAGGGAAGTAGATCCCAATTATG
GTCCTGGACATCAAATCATGTTTTCGGATGAGTTCCCTACACGTTGATATCTCAGGGATCTTTGGATGCTTTG
AATAAAGTTCTCAAAGAACCCGTATCAATTAATCGCTTTAGACCTAACATTCTCGTTGATGGCTGCGAACCATT
CTCCGAGGATTTGTGGACTGAGATCGAAATAGACAAGTTCATATTCAGGGTGTTAGGCTATGTGCCCCGTTGC
AAGTTACCTTCAATAAACCAGGAGACTGGAATTGCAGGACCTGAGCCGAATGAAACTCTAAAGAAGATGAGA
TCAGATACCGTCCTGCGTCCAAACCATAAACAAGGAAAAAATTTCTTTGGCCAGAATTTGGTTTGGAAGA
ACATAGCAGCTGAGGGGAAGGGGAAAATCATAAAAGTGGAGATAAAGTCAAGATTCTGGGGAAGGTTGCCT
CTGTAGCGGAAGCAGTAGTTTGAATACGTAAGATTACTAATTATTATACAATAAGATTATGATATGGGCTTTTG
TTTATATAATATATATTGTAGTAGCCAAATATGAAAGCAGTAAGATGATACAGTTGTTTGCCCTTTGTTTCTGT
GTGACATTGAATATGAATATTATATGTATGAATAAAAAGGGGTATGAG

>trans_s_1404 AC009176|Arabidopsis thaliana chromosome III P1 MLP3 genomic sequence, complete sequence

AAATAAGGTTTTTGAGATTCCATCTTCTACGCCGCGATCCGCCATTTCAAGAGTTGGGATAGCTCGGAACTCA
GACAATGAAATTAGCTCCAAAAGTAATATTTCTCCTCAGAGATTCTGAGGGTTTTGCCTCAGCCCTTTCCGGAG
CTCTTCGCCTCAACCCTCCTCCACGGTCACCACGCTGGATGAAATTTTCGAGTTCTCCCTCGAGGATTATGCAA
TCAAGGACCAGAAGGCCTCCGGTAACATCGTTCATTATCTTGATGATAAGGGAATTTATCAGGTTTCAGTATTA
ATCTTACAAAATTACGAACCTCCAGTCTTGGCGTGTGCTTTAGATGTAGTTCTTTCACACATAGCAGGAGAACG
TTCACCCTCTTCTCTAAAGCGAAACCCACTCTTGTAGTCCCATCTATCATTACATCCTCAAAGCTCAAGTGGGA
GAGCAAACTCTCACAAAAATGATCGGACTGTTCTTCTGTATGGTACCCAAGTAGGTCCAGAAACAGATATT
TCTCAAACGATGGGTGCCAAAGTCAAGAACTACCATCAGCTTCACAGATCTACTACGAGCAACTAGCCTGTT
TATATCACTTGATTCACATCTTGAAGATTCCTGCTTTTTTCGTTGTTGGACTAACAGGTCGTAGTCTTTCCAATC
AAGCTGCAGGTGAAGAGATTCAAGATACTGAATGAAATGGGTGAACTTTTAGCAAACTCCTTGCCACTCAGCTT
CTCAAGAGAAGGAATTGTTTGGAATCCAAAAGAAACATCAAAGATGTAAAGGAACCATGGCGTGCCTTATA
TGGATGATGGTTTGGTCTTTTTTGCTACCTTTATTTTAGTTCATCTGGCAAACTAGGGTTATTTTTGTAATCCCA
TATGTCAAAAATACAATTATTAATAATTTTAAATTTTGTAAAGAAGAATCTTAGTTTAGATTTCTTCTGTTTATAA
TCATCAGAAAGAAACAAAATATGCTTGCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1405 NM_111480|Arabidopsis thaliana PRXIIIF (PEROXIREDOXIN IIF); antioxidant/ peroxidase (PRXIIIF) mRNA, complete cds

ACTGATTGACCTTTTTCAATTTGATACTTGACGATCTTGTATCAGCTACGCTTATCCATGGCGTCCGCAATTCTG
AAGCGAGTCAGCGCCTCTGCAATGAGCTCGCTGGTTGAATCTATACGAATCGGAGCTTCATCGCGAACTTTG
CAGCGGTCGCGGTCGGGACTGACATCGTCTCCGCCGACCGGACGTTTCTCTCCAGAAGGCTCGGAGTTGGG
ATGAAGGTGTCTCCTCTAAGTTCTCCACCACTCCGCTTAAAGACATTTTCAAGGGCAAGAAGGTCGTTATCTTT
GGGCTTCCTGGTGCCTATACAGGAGTTTGTCTCAGCAGCACGTTCTAGTTACAATAATAAAATTGATGAGTT
CAAGGCTAAAGGAATTGATTCTGTTATTTGTGTGTCGGTTAATGATCCATATACTCTCAATGGCTGGGCTGAG

>trans_s_1406 XM_002867786|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata proton-dependent oligopeptide transport family protein, mRNA

>trans s 1407 XM 002298396|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

ATTGTACCTTACCTGCCATATGTTTACTCACTGGAAGTTTATCATTCCCTCAGATCAGCAACCTTGCTAGCATCT
GGTTCATCTCTCTCTTTCTTTCCATCTTTGCTACCGGTATTCTGGAATGAGATGGAGTGGTGTGGGAATTGAT
GAATGGTGGAGAAACGAACAATTCTGGGTATTGGAGGTGTGTCTCGGCCCATCTTTTGTCTGTCTCCAAGGTC
TTCTTAAAGTTCTTGCGGGAATTGACACAACTTCACGGTACTTCGAAAGCATCCGACGAAGATGGAGATTTT
GCTGAGCTCTACATGTTCAAGTGGACCACTCTTCTCATTCCCCCACTACTCTCCTAATTATCAACATAGTTGGA
GTTGTTGCTGGAATTTCTTATGCCATCAACAGTGGTTATCAATCTTGGGGACCCCTTTTCGGCAAACCTGTTCTTT
GCTTTCTGGGTGATTATTCATCTGTATCCCTTCCTTAAGGGTCTGATGGGTCGCCAGAACCGAACCTCCACAAT
TGTGGTTGTATGGTCTATCCTCCTTGCCCTCAATCTTCTCTCTTTTATGGGTTCGGATCGATCCCTTCACAACTCG
GGTAACTGGTCCTGATGTGAACAGTGTGGAATCAACTGCTAAAGGGAGTTTATATTTTATACAGATAAGATG
AAGAAAGGAAAACAATAGTCTCAAACGAAAACATGATCCAGATCAGGCAATTTATTTTCTGTTATCGTCCCTGA
ATTGGTATCTGGAAGCTAATGCAGGTACAAACCTATAGCTTATCTATGGACGATCGTATTTAATTTATTTTATTC
GGTGCTGTGTTTTAGAGTTTGAAGTTACAAAAGAGATTGATTTCAGAAGTTGATGATGATCTTGATCTCTTCAA
ATTTTTTCCCCTCCCCTTAAATGTTCTTTGTATGTACAAATAAAACTGATGACACATGATGATACTTGTTTGTTAC
TCTTCTTTCTCATGTATTAAGTATAAACTATGATGCTGGTTAATTATTAACAAAAA
TTTTGTAAAAA

>trans_s_1408 AY283056|Gossypium hirsutum central motor kinesin 1 (CMK1) mRNA, complete cds

AATGACGGGAATGAGTTGAAAAGTGGGAAGCTTGTTGGGAAAATCTCTTTATTGATTTGGCTGGTACTGAAA
GAGGTGCTGATACGACTGATAATGACCGTCAGACAAGGATTGAAGGAGCAGAAATCAACAAAAGTCTTCTGG
CTTTGAAGGAATGCATTCGTGCCTTGGACAATGATCAGATTCATATACCCTTCCGTGGAAGCAAACACAGAA
AGTGCTCCGCGATTCTTTTGTGGCAACTCAAGAACTGTTATGATATCATGCATTTCTCCGAATGCTGGTTCAT
GTGAACATACTCTAAACACTTTGAGATATGCTGACCGGGTCAAAAAGTTTATCCAAAAGTGGGAAGCACAAAAA
AGATCCAGCTGTTAGTTCAGTGTGCCAATAGCTAGAGATGTTTCTTCAGCCCCATCTATCCCAATTCCAAGT
AAGCAGAAGATACGAATATGCTGCGCCAAGAGGTGAAATTAGGGGAATTGGGCAGAAGGGTGTGAGAAAA
GAGAGTCTCTCCTCTTCCAACCTTTGACATGCCAACTACTGCTTTGCCATCAAGCAATAGCTTTCATGCACGAGA
AACTGTAACCTTCTGCATCATTGACAAGGAGCAGCCTGAAATGAGGAGCACTCATAGTGATCCAACGGGTGCG
AAAGATTCCCATGTATGCCAGCGCAACTTAAATGATATAGAGGAGAAGGTGCAAAAGGTATCACCACCCAG
AAGAAAATCAACCCGTGATGAAAAATCGGAAAAATCGGGGAGCTGGCAGAAGAAAGATAACGTCGTGCCTG
ACGTATCAACTGCAAGCCCCAAGCAGTATGGTCCAGGGATTCTAATACAAATGATACTGGATTGAGAAAGTC
TGAACCCGAGCCAACCTCTGATGGGAATATTAATGCCATATTGGAGGAAGAAGAGGCGTTGATCGCTGCTCA
TCGGAAAGAAATTGAGGACACCATTGGAGGTAGTGCAGAGAAGAAATGAAACTGTTGGCAGAAGTAGATCAAC
CTGGAAGCCACATTGANGACTATGTGACTCAGTTGAGTTTCGTGCTGTCTCGAAAGGCTG

>trans_s_1409 AY122895|Arabidopsis thaliana AT3g10060/T22K18_11 mRNA, complete cds

GGAGATTGTGGATATCATCTTCCCTTTCTCTAAAGTTTCAGAAAAAAAAAAAAAGAGTTTTATGAACTAATTTCC
CTGAATCCGATTCCATAGCAGTCACTAATCGAATCAATGGAGCTTTCTCTTCTCCTTCTCCTACAGACAAAAAC
CCCACTATTTTCCACAAGCCCCTCAACCCCTTCGCCGTTATCGGGAAGAGGCGCCATCTCTTTTCCCTTGTGCGC
TGCTCCTTATCGTCTTCACAAGAGGAATCTTCAGAACAAAGTTAAAGAATCGCTGCAGTGTGAGGGAAGAAGG
GCATTGATTGGTTCTTTCTGTGCGACGGCTACTGGCATATATTTCTGCAATGTAGCCGAGGCTGTTAGCACAAAG
TAGAAGGGCTTTGAGAGCATCAAAAATACCTGAAAGTGAGTTTACAACCTCTCCGAATGGTCTGAAGTACTAT
GACGTGAAGGTTGGAGGAGGAATAAGGCTGTGGTTGGATCCCGTGTTCAGTTCACTATGTGGCTAAATGG
AGAGGGATCACCTTTATGACAAGTAGACAGGGGGCTTGGTGTGGTGGAGGAACGCCTTACGGATTGATGTA
GGGCAATCAGAAAGAGGAACAGTTCTCAAGGGGTGGATCTAGGTGTTCAAGGCATGAGGGTAGGAGGCCA
GAGATTGCTTATAGTTCCTCCTGAGTTAGCTTACGGAAGCAAAGGGGTTCAGAAATTCCTCCAATGCAACA
ATAGAGTTGGATGTGGAATTGCTATCCATCAAGCAAAGTCCATTTGGAAGTCCAGTAAAAATTGTTGAAGGTT
AATAAACAAAACAATTTTGATAGCGGATATCTCAGTGATGTGGACTCGCAAAGATTGAACTATGAAATTGG
TGCTGAAGGGAAAAGCTTACCTGGTTTGAATTTGAATCTTCTTTATACAGCAAGATACGTCCATTACCATTTTAT
TTAATATTTAATTTTATTGAAACGTGAATCCATTCCCCCATCTTAATGAATATCACTTGTACTTTATGGAAAGC
AACTGAGATTTTTTAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1410 XM_002890108|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatase 2C family protein, mRNA

TTGCACGAGTCTGGTTGCCAAATAACGATTGCCTGGTTTGGCGATGGCAAGAGCTTTTGGAGACTTTTGTCT
GAAGGATTTGCGTCTTATTTCTGTTCCCGATGTTTGTATCGTCACCTTACCGCAAGGGATCAGTTTGTAAATTCT
TGCCACTGACGGGTTTTCTATTTGTATGGAGGAAGGGTGCGTTTTCTTCTACTAGGTTTGGGACGTTCTTTCA
AATAAGAAGCTATCGAGATTGTTGCATCAGCCCTTCTCGCGAAACAGCAGCCAGAGCTTTGTGGACTGCG
CCGTTCTGTCATGGAGACTGAAATATCCTACATCCAAGAATGACGATTGCGCTGTTGTATGTCTCTTTCTCGAG
TATGAGCCTGAAGTAGAAGAAAACACGGAAACTTGTGTAATGCCAGTGGAAGAAGTTCTGGTCGCACCAAGC
AACGACGCAAAAGACATCGAAGTTGATTTAGATGATCGTAGAACAACTGTTGTGCGAGCAGTCAGGCACTGTA

CAAAGCTGTAATGAGATTGTACCTGTCTCCGACTCAACGGATGAGAAAGTTGTTGCTGGAGGTCGAAACCGG
TCAAAGAGAAGCTTAGCTGAGTGCATTTCAAATGAAGAGGAGGAATGGTCTGCATTGGAGGGTATTACCAGA
GTGAATAGTTTGCTAAGCCTTCCAAGGTTCTTTCTGGTGACAAAAGATCAGGCAGTTGGAGAAAATGGCTAT
GAAGTTTCTCTTTTCAAGTGCCATTTTTATTGTTGTGTCAGTTTGGAGGCAGAAAGTTCCTATTTCTTGTGGATA
TAAATATCTTCATTTTCAATGCTCTGATCTTGCAAATAAAAGAAAATTTGTATTGGGAATTATTTCTTGTATT
GGAAAAAGATATACGTAGTGTGTTTATAATCTCAATTATATTAAGCATAACAAAAAAGACGATTGTATATCT
TAGAGTTAGAGATTATGGTTTGGTCTTTCTAATTTTATTTATATGATGTCTTGAAACTCCATCTTTAATCTTAAAT
CTAATTTCTGATGGTTTGTAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1411 XM_002865180|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AAAAAGTCATTTATTCTCCTCTGGGAAGGAAATTAAGTCATTTGATGTCCATCAGGCCACAGCATCGAAACCGT
TGGGGAGTTATAGTTACAACAAAGAGGAGATAAATCAGGTTTCTTGTAGCCCCAAAGCTTCTTTCTGGCTGC
CGCTGATGATGGTGGTGATGTTAAGATCATTGATGTTACAATAATTGCCTATATAAAACATTAAGATCTGGCC
ATACAAGTATCTGTAGCAGTGTTGAGTTTCTTCTTGGAGACCCTGGGAAGTTATTACAGGAGGACTTGACTCA
AAGCTCATTATGTGGGACTTTTCCAGAGGTCGCCCCATTCAAGTACTTGATTTTGATATCCCTGACAACCAACC
ATCCAGCAGCACGGGACAATGTTTTAATCCAGCATTTATTCATGCAATAGCAGTTCCTGAAGTTAATATGCTGG
ACAGATTGGGCCAGATATGTGTTGTTGCAAGGGGCGACGGTATTGTTGATGTGATTGATATTGAAACAGAGA
AATCAAAGACTTCCTCAAAAACGGTTAAAAAAGTACAAACAAGATCTAAGGGAGTTGCAGCTGCTTGTGATAT
GGATAACCAAGAGCAAACCTGGAAGAAAGAGGTTATATCTGGATTACACTGTTGGTGGACATTCTGCTGCCGT
GTCTTGTGTGGCATTTTCTCAATTTGGAGAGAAAAGGGAAGTTTATAGTTTCTGGTGGGAATGATAAGTGCATA
AAGCTTTGGAATTGGCGTGAAGTTCCTGATGGTGGGAAAAGTAGCAGCAGCAACAACGAGATTCTTCATTTG
AACATCAATCTGAGCAAAAAGGTGAATTGGCTTTGTACTACTCCATCTGAAACAGAAAACCTTATCGCTTGTGA
TACTAGCAAAAGTAGTGAAGGTATATAATGTTGCATAAATTCCTCAAAATCAGAGCTTAGGAAGATATCTGAGG
AATTCTGAACTATGCTGCTGTTCTTATATTTGAAGCATCTGACTTTAGATCCTTAAAGAGTAACAATTTTGACAC
AAAGATTTAGCATTTACTGAAAATTGCCTCCAAATCTTTCCTGCCCTA

>trans_s_1412 NM_148206|Arabidopsis thaliana catalytic/ protein serine/threonine phosphatase
(AT4G03415) mRNA, complete cds

TATAAAGCTATGGATAAGGAGTTGAGATCACATCCTAATCTGGACTGCTTTTGTAGTGGTAGTACTGCAGTCA
CCATAGTTAAACAGGGGTCAAATCTCTTCATGGGGTATATTGGGGATTCAAGAGCAATCCTCGCTTCGAAGGA
CGCCAATGATTCCACTGTGGCAGTTCAATTAACCGTGGATCTTAAGCCAGATTTGCCGAGAGAAGCTGAAAGA
ATAAAACGGTGTAAGGCAGGGTCTTTCATTGCAGGATGAGCCAGAAAGTGCCAAGGGTGTGGTTACCTTTT
GATGATGCCCCGTTTAGCAATGGCTCGAGCATTTGGTGACTTTTGTGAAAGAATATGGGGTTATCTCTAT
ACCTGAATTCTCTCATCGAACCTAACCGATGCTGATCAGTTCATCGTTCTTGATCAGATGGGGTGTGGGATG
TGTTGAGCAATGAAGAGGTGGTTGACATAGTATCCTCAGCCCCAACCCGGGCATCAGCTGCGAGGTCCGTGG
TGGACTCAGCTGCTCGTGAATGGAACTCAAATACCCTACCTCGAAAATGGATGACTGTGCAGTCGTCTGCTT
ATTTTTGGATAGGAGGATGGACTCCGAATCTGACTGTGATGAACAAGCCTTCTCGTCTGCAACATTGCGTAGT
AATCATTCGGGTACAGCTATTGAATCCGATGATGGCCAAAGGTCTGAGCCATGTTTGCAAAGGAATAACACTG
TCAGATCATCTGAAGAAAACAAGGGATTACCTGTTGACGACGGGGAAAATTGGCGATGCTGTACCTGCAGAAG
ATCAAACTGGTTGGGTTTGAAGGAGTCACTCGAGTGAACCTCACTTGTTCAGCTTCCTAGATTTTCCGAGAA
AAGGCCTGTGTCATAGGTTTTATAAAATTCTAGGATTGTGAATTCAAATGGAAAGATAAATCTTCAAACCTG
GCTACTGGTTTAAAGGTTTGTGTAGGTACATTTGCCACCAAGTGTATCTTGAATTGCACAAAAGTTTTAACTG
TTTTCATACATCACTACTTCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1413 NM_127823|Arabidopsis thaliana NIC1 (NICOTINAMIDASE 1); catalytic/
nicotinamidase (NIC1) mRNA, complete cds

```
ATTGATGGGTGTGAACAGTTGCCTAAAAAAGATGGTTTCGAGCTCCATTGATGTTTTGAAGAAGGAGATTCC
ACTGAAGCAGGAATCTGTGGTTTTGGCTGAAGATGCTGTGAACGGTCTTGTTCTCGTTGATATTATCAATGGC
TTCTGCACCGTTGGCGCTGGAAATCTGGCACCAAGAGAGCCAAATAGACAGATATCTGAAATGGTGGAAAGAA
TCAGCAAGAATTGCAAGGATTTTCTGTGAGAAGAAATGGCCTGTGATGGCATTATTTGATTCTCACCAACCAA
ACAAACCTGAGAAACCATATCCTCCTCACTGTATTGTTGGTTCTCATGAATCGAACTTGGTTCCAGCTCTGCAAT
GGATGGAGAAGGAGGCGAACGTGACGATAAGGCGAAAGGGCTGCTTCGATGGATATATGGGCTCCTTCCTG
CCTGATGGCTCCAACCTTTTCGTCGATTGGATTAAAAATAATCACATCAAATCTCTTTTGGTGGTTGGAATATGT
ACGGACATTTGCGTGCTAGATTTTGTGTGCTCGACTATGTCTGCAAAGAATTTAGGGTTTCTTCATCCCTTAAA
CGATGTCGTTCTGTACTCTCGAGCTTGTGCTACCTTTGATGTCCCTCTTCATGTTGCTAAAGACACCAACTCGGC
TCTCCCCCATCCTCAGGAGTTCATGCATCATGTAGGCTTGACATGGCTAAGGAAAGAGGAGCAATCATAGCC
AACAAAATATCACTAGGAACCAACATATAAACCCACCATGCTTAAGTAGTAGTTTCGCCCTCTCTAATGCCAAAC
GTTAAAGAATTGTAACCAAATAAAATAAACTATGATCTTGATCTTCCAAACGTTGAGTATGGAACCTCCCGCTAAA
AGAAGAGGACCTATAGTCTTCTCGTGAACGGTATCTATAGACATATTATACAGTGAGTTATCATTGCCACAAA
AATGATGTATATGTTGTAACTATAAGACACTCTATTTTCATATGTGTACCACATCTCCATAACTTAGTAAACGCT
AAGTTTTTTTTTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
```

>trans_s_1414 NM_117370|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, zinc-binding dehydrogenase
family protein (AT4G13010) mRNA, complete cds

```
TAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCCTTTGATAACACGGAT
TCCTATTTCTCAATGATATCCCACGATCAAGACAATTGGCTAAATCCCGTGAAACCATTTTCATAGAAGTTCATTG
ATATCAAATGTACTAGAAATTTATAAACTTTTCAAATTTACAATTTAATCAATAAAGGGCTGAAATTTAAAGCAT
CTTAAATACCGATTGTTCCAGCGCCTTCCAGTGCGGTGCCCATGGCTTCGAGGCTTATGCAAGCGGTTCTGTAT
GAAGCCTATGGTGGCGGATCGGCTGGGCTCAAGCATGCAGAAGTTCCTAAACCCAAGACAGACGAG
GTTTTGGTTAAAGTGAAGCAGTTAGTTTGAATCCAATTGATTGGAAAATTCAGAAAGGACTGATACGCCCT
TTTTCTCGCAAGTTTCTCATATTCTGGCACTGATGTAGCTGGAGAAGTCGTAGAGGTTGGAGCAGGGGT
CAAAAGCTTAAAAGCTGGGGACAAAAGTTGTTACATATCTTAGCCATGCTACAGGAGGTGGACTTGCTGAGTAT
GCTGTAGGAAAGGAGTCGGTAACGGTTTACAGGCCCCCGAAGTGACTGCGGCCGATGGCGCTGCCCTACCT
GTCGCAGCTTTGACAGCTCACCAGGCTCTCACCAAGTTGCCGGTGTCAAGCTTGATGGGAGTGGCCCTCAAT
CGAACATTCTCATCACTGCTGCCTCTGGTGGTGTGGTTCATTATGCTGTTTCAGATAGCAAAGTTAGGAAACACA
CATGTGACGGCTACTTGTGGCGCCCGTAATATCGAGTTTGTGAAGAGCTTAGGTGCAGATGAGGTTATTGATT
ACAAAACCCCGAAGGGGCCGCTTGAAGAGCCCATCAGGTAAGAAGTATGATGCAGTGGTTTCATTGTGCCT
CAGGGATCCCATGGTCTGTATTTGAACCAAATTAAGTCCTAATGGTAAGGTCATAGACATTACTCCAACTCCT
GCTGCGTTGGCGACTTTTGCCTTTCAGAACTCACCTTCTCCAAGAAGC
```

>trans_s_1415 AY104829|Zea mays PCO101760 mRNA sequence

```
TTTCACTGAAGGAAGTCCAAAAGATGGCTGCTTTGCCTCACTACCCCTAACTTCATCTTCTTTACATTCAGTT
GTCCAATTCTCACCTCTTGTATTCTCCTCAAAAGTTGTATATGACCCAAGTTCCTATTGCTTCACAGTCAGATCA
ATCGGATTTGGAACCAAAATTTTTCTCTCAGACCAACCCAAGGAGTTTGATAATTCTTGGGGCAGCAACAA
AACAAGCAAAAACACCAGCTGAAGAGGATTGGAAGGTGAAGAGAGAACTTCTGCTGCAGAAAAGGGTAAGA
AGTGTGGATGCTAATGAAGCTCTGCGCCTTCAAAAGGAAAATAAATTTGTGATTCTTGACGTCAGGCCAGAAG
CAGAATTCAAAGAGGGCCATCCACCAGGTGCCATTAATGTGCAAATCTACAGGCTTATAAAGGAGTGGACAG
CATGGGACATAGCCAGGAGAGCTGCATTTGCATTTTTTGGCATCTTTGCGGGTACCGAAGAAAACCCAGAATT
```

CTTGCAAAGTG TAGAATCTCAAATTGATAAAATGCCAAATAATAGTAGCATGCTCATCAGGTGGAACAATG
AAACCTACCCAGAATCTTCCAGAAGGTCAACAATCAAGGTCACTGATAGCAGCCTACTTGTGGTTCTGAATG
GCTACGCCAACGTATTTCACTTAGAAGGTGGTCTCTACAATTGGTTCAAAGAAGGATTGCCTGTAGTTTCAGA
AGAATAAGGTGGGCTCTACAAGATCTTCGGAAGTAAATAGCTTATCATTTTTGGAGGGTGTCCATTAAAGAG
CAGAGCCAAGTTCGTCGGAATGTTGGTTGGGTGAGTATTAGCCAATGCTGTATCACCAGATTTCAATCTTA
CCATTTGTGTGCTGAATCAGGATTCATTCTAAATGTACAATTATAAGTTGGACAGTGTAGAAGACTAGATTTCG
TTTCATAATGGAAATACTACCCACTTTCCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1416 NM_001066774|Oryza sativa Japonica Group Os07g0608100 (Os07g0608100)
mRNA, complete cds

GTA CTTAAAAAAAAAATGTTTTTAAACAAGAAAAGAAAAGAATCCCTTCAAGGGATTAAACGTCGGCGTTTT
ATGAGTAAACAGGCTGACAGTCACCTTGTCTCCCTCGCTATGCACTGCCACTGCGTGGATTAGAGCATTTCCTC
AGTCTACAACACAACAATGCTTCACTCTCTATTTCCCTTCCCAATCCTCCACTTTCCCTTCCATTTTCACTCTC
TCAATTCCATTAATCTTCTCTCCCCAAAACCTTTTCCCTGGTTTTCCATCCCACCCCAAAAATGCCCTCAGAAC
CTTCCTCCATTTCCACAAAACAAGATCCAACAAATCCCTCTCCAACACCTTCAATTCTCCTTCTCCACTCGCGCT
TCTCTCATCGAAGCTCCTATTTTGTGGGCTGGTAGACTTTGCATCTTCTATGCCCTTCTAAGAGCTGGTCTTGCT
GGATCTCAATCCAACCCACTTATCTCTGATTTGGACTTATCCTATGGTGGTAGTTCTGATGGAGAAAGCAGCAG
TGATTTGGGGTTTTCTAAATGGTTGGAGAGTGTAAGAGGAAAGCCAGTGGATGAAGCAGTTGATAAAAGAAA
ACTAGTGAGCAAATGGCATCCTACCACAAAGGGAACCTCAGAAGGAACTATCGAGTGCCATCTAAATCTGAA
GGACGGCGTCTTCTTAAAGCCATTGCATCCCTCCTTTCTGACGACGACCACTTCGTTGATGCCACATCCACAA
GGGTTGCCAAATCAGGAGGGAAAGTGCTCATGGGGAGAGTGTTTGTGCAACAATGTGAGAGCTTTGTTTGA
TGAGCTTCCAACCCACATCTTATTGTGGAAATAACTCCATTCCCTGCTGGGCCTCTCAATGAAAATGATTACA
CAAAAGCTGAGAACTAGAGAGAGTGCTCAGATCTGGTCCCTCTGTTTGAGATATTTCTTAATCTCTTTGTATT
ATTGTATCTCAACTTCTTTGTACAGTGTTTGAAAGTTGAAACTAATCCATCTCTAATCTTGATAGGGACGTTGCT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1417 AF386936|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g19180; T20K24.20) mRNA,
partial cds

TCTCTTCTCACACCCATAGCTGAAGAGATAGAGGGAAAAAGGAGTAGTTCTTCGATTTATAGAGCTCAAAGTT
CGTCTGCTGTTCTTCGCATGGCCCGGTTTTTTCTCTTCCAGTCTTTCATCTCCTCCAAGTTTCAATTATCGG
TTTTGATTCCGTCTTCTTTACTCTCGGTCATCGGAACCGCTCTACACGGTCCGGCAAGGTCAAATTCATCGAA
ATTGATCTCGAGTCTTCTCTTTCGGGGCTGATTCAGAGATTCTTGCTATTAGGAAGCTCGACGACTTTGTACA
GAGGATTATTGTTGAGCGATCCACTCCTGATTGGCTTCCGTTTGTGCCCGGTTGCTTTTTGGGTTCCTCCACG
CCGTAACAAACCACGCAGGGTTGTGCACCTATTTGATAAATTGGTTGAACCGATCGCTAAAGAGGACTCCCT
TCCCTTGCTAACGCCCGTGGTTGGCCCTGCTTAGATTTTTTCGCCAAAGAATCTATCTCTGGACCAACTCGATTA
GCTCCAGTAGATACCGAGTTGGAAACTTCAAACGAGTTGGAGATTGACGTGCAGACACCAACAAGTAAAGAT
AACTCAAATCAGCCAGAGGATTGAGAAAGAAGAATCTCATACCTCATCCACTAACGGAGTTGGTTGGGAGCG
TTAGATGGCTGTCAGAGATTGAGAGACCGAACGGGGTGGAAAGTGATGGTGATGAGAGGTCGGAGAGAA
ATAGGGGGCTCTACAGACAGTTCCAGTTTGGATGCTGTGGTATTCACTTCCATTTGCTTCGTCTAAACTGCCCT
GTCTACTTGAAGCCCACTCTGCACCCCTCCCCCAAACTAATGGTTGTTTATGCTTCGTTGCTCTGGGACAAAAT
TCACCAGCTTGTTATTTAAATGAGGTGAATTATCAAGTTGTCAACCACTGTTCTGTCAAATCTATGCACAGCTCA
ATAAAAGAAATCTCCCTGTGTCTGTGTAAAGTAACTGATAAATCGTTCTCCATTTCAAGTGGTTGAAGATCAA
TCTAAGCTCGTAGTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1418 NM_101723|Arabidopsis thaliana PDCB3 (PLASMODESMATA CALLOSE-BINDING PROTEIN 3); callose binding / polysaccharide binding (PDCB3) mRNA, complete cds

TTCCTACTAGAAATCTCCATTGTCCATAATTCTCTTTTTTCTCTCTTTCTCCGGTTTTGCCACTTCTCTTAA
ATCCACTATTCTTCTCTTCTCTCATCTATCCTCTCTCAGAATCTTCTCAACCATGGCGGTTCTCTTGCTCTGTTA
TCTGATATTCTTGGCCTTCACTTCCCATTCAAGTGCCACTTATTGCATTTGTAAAGACGGACTGAGTGATCAAG
CCCTTCAGAAAAGTTTGGATTATGCTTGTGGAGCTGGAGCTGATTGTAGTCAAATCCTTCAAAATGGCCCTTGT
TTTCAACCCAATACTGTGAAAGATCATTGCAGTTATGCTGTCAATAGCTATTTTCAAAGAAAGGGTCAGGTTCA
AGGGAGTTGTGATTTTTCAGGCACTGCCATGCCTAGCCAATCTCCTCCTGCCGTAGCTTCTGGGTGTGTTTATC
CTTCAGTCCCAGTTTTCAGGTACCCCGACTACCACCACCCCATCAACCACTCCATCAACCACCATTCCCGGCA
CGACGCCAGGAACCACAACAAACCCATCAACAACACCACCGTCGACAACAACCTCCGGGCACAACCTCCCCTTC
AGTGTTCCGGGGGTGGAATAAGCCCAACAGGCGGCGTGGTCTTGGTGGGAATACTATGGATGGCAGTGCTG
CTGCAGGTCTCAATGCAGCAGCTCTAACCTGTTCTTCTCACCGCTACTGTGACATTTTGGTTTTCAATGTTCT
GTTAGGTTAACCATGACGGAGGCCATTAGTTGATTTCTTGGATGGATGGATGAAAGGAAAAGCTAGGAAGG
TTGTTTTCTAATGTCCTTCGATGTGGAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGGGTG
GAGAATTTGATTCCTTATTGAGTGGTGGTATGATTTTCTACTAGAATGGAACCTAATCCTCTTAGATATTTTCA
CTTTGTGTATCTAATAGAGGCTGTATTTCTTAATTAATGGGACTTTGTACCCACTAATCAATAATTCTGCTC
TGTTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1419 EU824098|Populus tremula isolate swl255-63E S-adenosylmethionine-dependent methyltransferase gene, partial cds

AGGCTTCGGCGTTTAGCAGTATCTATTGGGCATTAACCATGTTGGAAAATGAAGCTAATCCAACATCAGCAA
GTCAACTGGCCTGCCTCGGAAGCGGTTCTATCGTGCAAGAGCACACAGCAACCCTCTAAGTGACTCTCACTTC
CCAGTACCAATCTCCCCAGTGAAGTTGATTATCCCTTCATTACCCTCAATTATCCCTTCAAATGATCAGCGA
GATAAAAAACAAAAGATTGAATTCGCTGATATTGGCTGTGGTTTTGGAGGCCTTTTGATTAGTCTTCGACCTT
TTTCCAGAAACCCTGATGATTGGAATGGAACCTCGGGATAAAGTAACAGAGTATGTTAAGCAACGGATCTTA
GCTTTGAGAGTAGCAAATCCTGGCCAATACCAAAACATTTCAAGTAGATCGAACAAATTCATGAAGTACATTC
CAAATACTTTGAAAAAGCACAACTTTCAAAAATGTTTTCTTGTTCAGACCTCATTTCAAGGAGAAGAAT
CATCGCCGACGCGTAATCAGTCCACATTTGCTTGATGAGTATGCATATGCTCTGAGAGTTGGTGGGATTATAT
ACACAATCACTGATGTGGAAGAGCTTGGAGAGTGGATGAAGACTTGTCTAGAGAACCACCTTTGTTGGAAG
CTCTAACATCAGAAGAGCTCGAGGCCGACCCAGCCGTGAAGCTCTTAAGTTCTGCAACTGAAGAAGGACAAA
AGGTTGCAAGGAATGAGGGACAGACCTTTCAGGCTGTTTATAGACGCATTAGTGCAGCACCATTGATTGGAAG
GTTGAGCTTTCTTGGTTCGTTTAATTGAGGCAATGAGTTGTTTTCTTGAGCTTATGCATACATCCTAAGTCTCT
TCTTTGTATTCTATTTCCGCTCTTGTAAGAGATGCATCTTAGAAATTTTATCTTATTTACTTCAGGTGTGAGCGA
AGCTGAGAATTTTGAACCTAATTTGGCATTTCAAATCTGTTCAATATTATTTTATTTTCTCTTTTAAACAAAA
AAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1420 NM_001063157|Oryza sativa Japonica Group Os06g0116600 (Os06g0116600)
mRNA, complete cds

ATCCACATTGTACTTTGATTAACCCTTTCTCTCTCTCGCCGGCTATGGGGTTATCCCTTCTACGAGCTATGGCGT
CTGCCTCCGTCTCCACCTCCGCCGCCCGCTCTGTCTTCCCAGACGCCTCTTCTCCTCCTCATCTACTTTAC
ACATCCTCCTTCCCCTTCTTCTTCACTCTCCGCCGTCGATCTCTCCTCTGCTTTCCCATGCCGTTGATCTATCC
CTTCTCCTCCAGGTCCACCTCGTTTCGTTGCCTCTCCTCTAGGCCTGGTAACTCCTCTTACTCTCCTCTTAACTCT
AATTCCAACCTCAGTGAACGTCCTCCCACTGAGATGGCGCCTTTTTCCCTGGATGTGATTACGAGCACTGGCT
CATTGTCATGGACAAACCTGGTGGTGAGGGTGCCACTAAGCAGCAGATGATTGATTGCTATATCCAGACTCTT

GCTAAAGTTGTTGGCAGTGAAGAGGAAGCAAAGAAGAGGATTTACAATGTTTCTTGCGAGAGGTATTTTGGG
TTTGGGTGTGAGTTGGATGAAGAGACCTCCAACAAGCTCGAAGGATTGCCAGGTGTTCTGTTTGTCTTCTG
ATTCTTATGTGACCCAGAGTATAAAGACTATGGGGCTGAGTTGTTGGTGAATGGAGAGATTGTTCAAAGGTC
ACCAGAGAGACAGAGAAGAGTGCAGCCACAGCCTCAGAGAGCTAATGATAGACCAAAATATACCGACAGGA
CCCGCTATGTGCGACGCAGAGAGAATATGACTTGATGCACGTCAGACGTTGAGGAAATGTGCACATATGACT
AAAGTGGAAGGGAATGTTTAATATCTGGGAAGGCAAAATGGACAACCTTATACAATTAGAAACATTAACTG
AAAGTTGAAGTAATTTGCTACGTGAAAGAGTCAGTGTCCGTAGATGTTAACTTTTGTGCTGATGAACTACATA
AATGTGTATGTGAGCTTGTGTCAGTCTACCTAGTTGATGTTTTATCGACTTTGGTCTAGTTGTAAAACGTGC
ACGTTTAAATTTTATAAGAACAATTTAGTTATTCTTTGGC

>trans_s_1421 HM122640|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR15)
mRNA, complete cds

GATGTAACAGCCCAGCTCTTCATTATTACTCAGAACTGTTTGAAACAGCAATAAACAACCTGTAATACAA
GAAGATTACAAGATCCAAACATTGATTCTTCTTTGTAATAAAATATTTTCAAATCTGAACTTTATGAACATTAC
TTCAAATTTTTGCAAGAAAAAGAGAGAGAAAAAAAAGAGTTCTAGTTCTATCTCTATCACAATAATGGGAA
TTGAAAGTTTTTCAACCCAAAGAAGGAAAAAGAGAGAGATCTAACAGAGGATGTCCTATTCATTCACTAAGTGC
TTACCATTTTTTTGTTCCATAACTTCCTACTGCCTATACAGAACTTGTAATTTTCTCCATTATGGCTTTATTTT
TCCATTGCCAATTAGAGAAGATAATTGAAAGATTGAGAAAAAAAAGGCATTCCCAGCATTCAATAATTTGTA
TATTACCTATGAGCAGATGTGGGAGGCATTGGATATGTCATTGGGCCCATGTTTACGGGCGCACCGGGAACC
AATGTGCCGGGCACTGGAGCTCGGACTCCATATGCCATATGAGCGGGAGCAGGGAGACTGACAGGGGTGCC
AACAGCTGAGACAAGTGGACCGCCACTGGCTGTCCATTGTTGGACCACCATACATTCCACACCGGGGAGGA
CCAGCTGCAGATTGAGGAGGCTGTTTTGTTGGTTTTCCAGAGGGAGCTGCTCCAGAGCCGTTTGCTTGACCCG
TAATTGGCCCTTGAGTGGCTGAGATATCTCCATTGCAACGCTGGTGATATCATGGATGCTGGACCGCCTCCTT
TCTTTGTTCAATTGAGTTCAAACGGATGAAGTATTTTGTGCATGGCTTGCCACTTGAGTAGGTGTTCTCGTCAC
AACAAAGTTTCGGGATATACTCCGCCAGTCTCCTTTCCGTATTTATCGAGACCAAGTAGAAATAATCTGTGTT
CATCCTCTGTCCAAGCAATCCCTTTCCGGCGTTCTTGATCTGACCTGAAGTCTTACTTCCATGATTTGAATCAC
CATTACAGTTCCCAAATGACCATTCTTCTTAGTTGTTCTT

>trans_s_1422 NM_180432|Arabidopsis thaliana GLU1 (GLUTAMATE SYNTHASE 1); glutamate
synthase (ferredoxin) (GLU1) mRNA, complete cds

TGATTATGTGGGGAAGGGTATGGCGGGAGGTGAATTAGTTGTAACCTCAACCGAAAATACCGGATTTGTTCC
TGAGGATGCAGCCATAGTGGGGAATACATGTCTGTATGGAGCAACTGGCGGTCAGATTCTTGTTAGAGGAAA
AGCTGGGGAGAGGTTTGCAGTCAGAAATCACTTGCTCAGGCAGTGTTGAAGGAACTGGTGACCATTGCTG
TGAGTACATGACTGGTGGCTGTGTGGTTGTAACGCAAGTGGGAAGAAATGTAGCTGCTGGAATGACCGG
AGGCTTAGCTTATATTCTGGACGAGGATGATACTCTTATTCCGAAGGTTAACAAAGAAATTGTAAAGATCCAG
AGAGTAACTGCTCCAGTGGGGCAGATGCAGCTGAAGAGCCTGATCGAAGCCCATGTTGAAAAAAGTGGTAGC
AGCAAAGGCTCCGTGATCCTGAGCGAGTGGGAACTTATTTACCGCTCTTCTGGCAACTGGTTCCACCTAGTG
AGGAAGATACCCAGAGGCTAGTGCTGAATATGTAAGAACAGCTACTGGAGAAGTGACCTTTCAATCCGCCT
AATGGATCAAGGCAACAATTGCTTTGATCGTGTGATTAATTTGCAATGCTGCAACTCTACGACATCTGGATTT
GGAATGTGGATGGTACGAAAAACGTTACATAACTCAACAGCGAAGGCTATGTGACTTGGTGAAGGAACCAT
GATCTACCACCATTCAGCAGTGTAAAGCCATTCTCTGTATTGATCCCTTTGTAAATATCAATTTGCAGCATAAAA
ATAAAATGTAGATTTATGTAGTTTAGGGTTTCTCAATCTTGTGGAAGCCAAGCATCTGTTTATCCTGTCATTA
ATAATAAATTTAGGCTCGGCTCATTATTATTGGCCATTGCTTTCTTCTTTTCTGGCTAAATGTGCTTTTTGGCAT

TTCTGGTTTGAAATTCTCTGATTATTTTGTGCTCGCATTCCGAAAAACATCAACGAACAATGTCTATTCTTATAC
ACTGCTCTTGAATGTTTGTGTGTTGAAATGAAATTATTTGTTTCGAG

>trans_s_1423 NM_001064709|Oryza sativa Japonica Group Os06g0642900 (Os06g0642900)
mRNA, complete cds

TCCCCATTTGTTGTTTAATGTTAATGCCTTAGAAAAGGGGAAAACAGAGATTGATAAAACCTAACCCCAAAGA
AATCAAATTCCTTTTCTTCCACCTCTTCCCAAGCAACCTCCAAAACCTAATCTTCTATTTTTTCTTTCCC
TTTCTTCTGTTCACTCTCGGATTTGAATTTGTTGTTTGTCTCCGGCCGCGACGAAGGCCTCTTAGGAATTA
GCTTCTGCAAGCTACAACCCGAGACCATGTCTGCTGTGGTGTGCGGTTCCAAGAGATCTTCTTTGAAGAAC
TCCCACCTTCGCCTCCATTGCCAAGCGCCACCGTTGCTCTACTTCTCCTATTAGATTCGCTGCTCCCTCTCATAT
TGATCACTTACAGCATTTGTTCCCTCAGATGGACCATCAGCTTCTTGTGAGAGCCCTGAAGAATGTGGCAATG
ACTTGGATGCTGCTATCAGAAGTCTGAGTGACCTGTGTTGGGGTCTGCTGTTGAAAATCCTGTTGCTTCTGCT
GAACCAGAGACAAATTTGGATCAAGGTTCAATTGCTAAGGACGGAGAGGCTGCTGCTTCTGAGAATTCTTCAA
GCACTGTTTCTTGTATGGTAGAAAATGGATCGACTTGTTTGTGGCGAAATGACGAATGCTACCACAGTAGC
TGATGCTAAGACTCGTGCAGCAAGGGCATTAGAGGCTTTAGAGAACTCAATTACTGCTCGTGTTAGTGTTGAT
GCTGCACAAAACCTTTCACAAGGAAAATATGCAACTAAAGGAACAAATTGAAGTACTTCTACGAGAAAATACAA
TTCTGAAGCGAGCAGTTGCTATACAACATGAACGCCAGAAAGAATTTGAGGATAAAAAATCTAGAGTTGCAGC
ACCTTAAACAGTTGTTAGCTCAATATCAAGAGCAGCTCAGAACCTTAGAGATAAACAATTATGCATTGACAAT
GCATTTGAAAACAGCTCAACAAAGCACCTCGATTCCAGGNCCGCTCCATCCCGATGTCTTCTAGCAAACAAGA
AAGTAAAGATCTAAAATATTGCTGGCAGAATGATCTAAA

>trans_s_1424 NM_001112231|Zea mays acidic ribosomal protein P1a (arpp1a),
mRNA gb|U62752.1|ZMU62752 Zea mays acidic ribosomal protein P1a (rpp1a) mRNA, complete
cds

AGAACGTCCCTTGAGCGCAGCGAAGAACGAAGAACGAAGAACGAAGAACGTCCACTTCAATCTGT
GAAAAATGTCGACCGGAGAAATTGCCTGCTCTTACGCTGCTCTCATCCTCTACGATGACAATATCCCTATTACC
GCCGAAAAGATTGCTATGCTAACGGGGTCAGCTAATGTTAGCGATGTGGAGTCTTACTGGTACAGTCTCTTTG
CTAAGCTGGCTGAGAAGCGTAACATTGGAGATTTGATCCTCAATGTTGGGGCTGGTGGCGGTGCTGCAGTCG
CTGCTGCTGTCCCAGCTGGCGGAGCTGCTGCTGGAGGTGCTGCCGCAGCTGCTCCTCCACCGGAAGAGAAAA
AGGAAGAACCCAAGGAAGAGAGTGACGATGATATGGGATTCAGTTTGTGTTGATTAGGTTAAGATTTGGCATC
GCATGTTTTGTTCTAGGTTTATTATCTCTTTTTTAATGCCCCGAGGAGGCGATTGTTATTTTACAGATACGTAGTT
TTGAACGTCCGTAACAAATTTGCGATAAGTTTTGATTTGAATGTGATTTGATTTTCATCTTTTCTGTCTAATATAT
CTTATAATTATATGTCGTATTCCCTCTCGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTTACCCCCCCC
CCCCGGGGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCCCAAGGGGGGTTTTAAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTT
TAAACCCGGGGGGGGGAAAACCCGGGGTTCCCCCATTTTTTCCCCTTGAAACCCCCCCCCCTTCCCCCGG
GGGGGAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCCACCCCCCCCCCAATTTGGCCCCCTAAGGGGGAAAGGGGGC
CCCCCCTGGACCCCCCTTTAGGCGGGGGGGGGGGGGGTTTCCCCCAGGGG

>trans_s_1425 NM_127307|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT2G17530) mRNA,
complete cds

AACCTTGCAAACCTTGATGTTTACAAGGAACTTCCCTTTTCTCTTTTCTTCTATCTTCTTTCTTTT
GTCTTTCCAATCCAAACCATTAAGGAATCCACCTAGAAGAGAGATTCTTACCTTACCCAGATCGACCTTTTC

AAACCTGTTTCGGATCGGATCGGATCGTTTTCGATCTGAGCAATTTTCGGATTGTAATATGTCGTGTTTCATCTTC
ATCTGGGTCTGAGGATGATGAGGGAATCGATTCTTACAGGAAAGGAGGGTACCATGCTGTGAGGATCGGCG
ATCATTTCCCGGTGGCCGTTATGTTGCTCAGAGGAAGCTCGGCTGGGGTCAATTCTCCACCGTCTGGCTCGC
TTATGATACTCGTACCTCCAAATATGTATCACTTAAATCCAGAAAAGTGCTCCCCAATTTGCTGAAGCTGCAC
TTCATGAAATTGAAGTTCTTTTCGGCAATTTAGATAGTGATCCATCAAGCTCCAAGTGCATTGTGCAACTGATC
GATCATTTTAAGCATGCAGGGCCAAACGGGCAACATCTGTGTATGGTTCTCGAATTCCTTGGCGATAGTTTACT
TCGATTGATCAAGTATAACCGTTATAGAGTTCTTGAGTTGAATAAAGTCAGGGAGATCTGCAAATGTATTTTG
GTTGCTCTGGACTATTTGCATAGAGAACTTAGTATTATCCACACTGATCTGAAACCTGAAAATATTCTTCTATTA
TCCACCATTGATCCTACCAAAGATCCTGTGAGGTCTGGACAGGCTCCTATTCTTGAAAGGCCTGAGGGGAATC
CAAATGGTGGAGCAACCATGAATATTATTGAGAAGAAGTTAAAGAGAAGAGCAAGGAGAGCAGTCTCTAGG
ATCTCTGAAAGGAGAGTTTCTATGGGGGAGCAACCCCAAAGCCTGAAGATAGAAAAGTAGATGGTATTGAT
CTAAGGTGCAAGATTGTAGATTTTGTAATGCATGTTGGGCAGATAGGCAGTTTATGGGAGAAATCCCAACA
AGACAGTACAGAGCTCCTAAGTCATACTGCAATCTGGTTATTC

>trans_s_1426 AL161583|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 79

AGACCTTTCACCGTCCGCGTGTTTCCTCCTTTCATTCTTCACATTTTCCTTAACTTTCGGGCGACTTTTCGGCCA
CTCCAAACTCTGTGGAAGCTTATCGTGTTTCCGGAGTACCTTAATGATGCCAATTCTGTAGAAGTAGCTATGC
TATTGACTGAAGCAAAAGATAACCAACTCCGTGAGAGCAATAACCAGAAGGTTACCCACAACCCATGGAAG
AGGCAATGAACCAGAAACCTGAAGCTATGGAAGCCCTTATATCAAAGCTTTTTGTCAACATCTCTTCTTAAAG
TCTGCTTATATCCAGCTCCAAGGTGCCCATACACCTATGATCCTGACAAAATTCAAGCTGCAGACAAACTTGT
AATTTCTGAGCTGAAGAACTATCTGAGCTCAAACACTTTTATCGAGAAAACAATCCCAAACCGGTATGTGTTT
CACCGCAAGACTCACGGCTAGCTGCAGAGATTCAAGAACAACAAAGCCTTCTGAAAACCTATGAGGTTATGGT
CAAGAAATTTAGTCTGAAATTCAGAACAAAGATTCTGAGATTCTTCAAGTGCAGCAGCAGATTGAAGAGGCA
AACCAGAAGAAAGTAAAACCTGAAAAGAACCTCAAGCTTCGAGGGCTGTCAATGAAAGAATCAGAAGGTTCT
GCAGATGAAAACGGAAATTTCCCTGTGGACTTGACCCCTGATCTGTTTACATCAGTCGTGGAAGGCGCTTTTA
AGGCCATTACGATTTCTCCAAGCCTTTGATTAACATGATGAAAGCAGCTGGCTGGGACCTGGATGCTGCTGC
TAACTCAGTTGAACCGAACGTGGTCTATGCAAAAAGAGCTCACAAGAAATATGCATTTGAGTCCACATATGC
CAGAGAATGTTTTGTGGCTTTTCAGCACGAACTTTCTCAATCAAAGTAGACGATCTTGCACTCACAAAAGAGG
ATTTCTTCCGGCAATTTATTTTATTGAAGGACATGGATCCATTAGACATGCTAGGCCAAAACCCAGATTCCATT
TTTGTAATTTTGTAGAAGCAAATACCTACTAGTGGTTCACC

>trans_s_1427 NM_001064040|Oryza sativa Japonica Group Os06g0318700 (Os06g0318700)
mRNA, complete cds

AGGTACAGCCGTACGGGCGCGAGCCATAGCCTTTTCTTTCCCTTCTCCGGTTGAATTATGCACTGCCTCGATT
TCCTTCGTTTCTCTCCTCTTTTCATTTCCCTCCACTCCTTCTATCTTATTCAAATCTTCTCTCACTTCTTTAATCAA
ACAAAAAAATTTTCATTCCTTTTCTTTCCCTTTTATTTGATTTCAATCCCTTTTCTTCTTTTCGATCGCCATGTCTA
AAAGGGTCTTATGCAAGTATTTTGCGCATGGAGCTTGTTTAAAGGGGAATATTGTGAGTTTTCTCATGACTG
GACGGCTCCACCAAGCAATGTTTGTACTTATTATCAAAGGGTAGGTGTGCTTTTGGCAGTCGATGCAGATAT
GATCATGTTAAAGTTTCTCACACCGAATCGTGTTTCGAATGTTTCAGCAATCTCATGGGTCTGAATCTTTTCTGTA
GCTCATTCTCAATTATCAAGGCCACTTTCTCCTTTTCTGGTTCTACAAGCGAGCTTGCTAGTTCAGAGATGCCC
AGTCTTCCCTTGCGGCATGAACTGCGTGGAGTGGAGAGTTTGTGCGTCCAGACGGTCTAGATGATTGGGGG
AATGGGGAGGCAAGGGTTGTTGGTCCAGCTGATATACCTATTTGTTCTTTTGTCTGCGGCTGGTGGTGATTGTC
CGCGTGGTGAAAATTGTCCTCGTATTATGGGGACTTATGTCCTACATGTGGAAAACAATGTTTACATCCTTTT
AGGACGGATGAAAGGGAGGAGCACTTGAAGGCATGTGAGAAAAAGCAAAAACATCTAGAGTCTTTGAAACA

TAGCCAAGACATAGAGTGCAGTGTTTGCCTGGAGCGTGTTCTTTCTAAAACCGAAACAGCGGAGAGGAAATT
TGGGATTCTATCAGAAATGTGATCATCCATTTTGCATTTCTTGTATTAGATAACTGGCGCAATAGTTCATCTACCT
ACTGGAATGGATGTTAATAGTGCTGGAAAAATGTGCCAAACTGCATAATGCTGCCCTTTCTTTTTATCCACG
AGTGATATGATAGTATATGACCTTGAAAGTCTT

>trans_s_1428 GQ144323|Morus alba var. multicaulis ZLW (zlw1) mRNA, partial cds

CACAAGCACCATCGCAGCAACAATTTCAAAGTCAGCCTCAGCCACATCCCCAACAGCAATATCAGCCTCAGCC
ACATCCCCAACACAATATCGGCCTCAGCCTCAGCCACAACAACAATTCGAACCTCAGCCACAACAACAATATC
AACCACAGCAACGATTTCAATCTCAGCCCCAGTCACATCTGCAGCAGCAATATCATCCACAGTATGCTCAATAT
TCTTCAGGCTATTACCCTCCCCACCTTGGGCAGGTTCTTCTCTTAATGCCAACCACCAAAGCAATGCCTCTGTT
TCGAATATGGGTTATCTTCGTGGGAAGGAACCTGTACTGTCTACCTCGTCATTGCCTGCTAGACCTTTGCAGCA
TCTTAATTCATTTCCCTTGAGAGGAAATGATGAGTTAGCTACACGTGGAGGAGGAGACTCGTGGGCAGCAGG
TGCCCTAGGAACTCAACGCCTTCAACAACACAAAAGCCATTTCATTCATCGTACAGACTGTTTGAGGATCTAA
ATGTTTTTGGCAGTACAGATCCAAGATTGAAGGTGACTAGCAGTAACGCAACCTCTAGCTTAGCCGGAAGTTC
TGGTCAAAGTATGGTGGGTGGGAGAAAGTGAAAATAGCCTCCTCATTATGTAGCTGAAGAAATTTCCCGTGTC
AATATAAAAGTATCTTTTTCATCTTTGTGACGTATTTAAAACAGATTGGCAGAACATAGTTTTCATGTGATCATT
GATTATGGAATTGAAGAAAAAATGTGAGTTGTAAATTTTGGTCTATTTCGTAAACGGTCTACTTTGGTCGTGCT
TTTCGGGCAGTGTCATGGAAGATGTAAAAACCCAACAGGACAACAATCTTTTTGGTGATCCTGACATTCGACCA
TGGAGGTAAAGCTCTCTAGGTTTTCACTTTCTTCTACTTTGCTCTGTATGATATATAGTCAGTCTCAAGATCAGAA
AAATTAATGTGCAATTGATTATATTTTCATGGTTGTATAATAATTACATTTTTACTACTTTTTTCGTAATTTTTTAG
TTTTCCAAAAA

>trans_s_1429 BT015803|Arabidopsis thaliana At1g55535 gene, complete cds

AACCTTTTCAGAACTGATTCTTCTTTCATTAGATTACTCCCTCGTCTCGCTGCATCGCGCTTGAACCTCGTCTTAC
TCGCTCATGAATGATTTGATCATACGGCGTTCTTGCGGTCTAGCAAAAAGAAACAAAGAAAAGAGAAAATTCGA
CATCGAGCGGCCAACAGGAGCGGTTAAGAGGTTAGGACGGCTCGTTGGTGGGGTTAGGTGGATTTTTCAAAT
GGTATATCATGCTTTGCAATTCATTGAGAGATCGACTTCGGCCATGGCTTCGTGATTATGATAGGCTTCAGTCT
TTCGCCGTCAATTCTCATTTATATTCAGATCGGGTGCGCATTGATTGGATCCCTAGGGGCATTATACAATGGTGT
TTTGCTATAAATTTGGCAATCGCATTGTTGCTTTGGTAGCCATAGAGAGCAGCAGTCAGAGTCTTGGTCGTA
CATATGCTGTTCTCTCTCTGCCATTTTCTCGACGTCTTCTGGTTTATTCTTTTCGCCTACGACACATGGAA
CATCTCATCCGAGCAATATGGACCCCTTTTACCTTTTTCAGTGAAGCTTACTCTGGCAATGCAGATTATTGGGTT
TTCTGTTAGGCTATCATCTTCTCTACTGTGGATTCAAATTTACAGGTTGGGGATTTTCATACATGGAACTTCAGT
TCCCCGAGAGGCAGACTACGATCTGAGAAATAGTTTTCTTAGCCCGGCTACTCCTGTTGTAGTTAGACAACCAT
CAGGTTCTGATGACATGATTGGGGGCTCTATCTATGATCCAATTACTACTCGTCCCTCTTGAAGATGGTCAA
GATAGTAAATGTTTGTCTGGGATCTCTCATTTTGGTAATGGTGATAATGGGTCTACCTCTGGGCCAGATGTATC
TCGATCAAAGCTGTCCAGACATTTCCAAGTAGCAGACGGAGACAGGAGACTAGGGATTTCAAATACAAAGGA
ATACTTGATAAAATGCATTGTGTGGGGAGCATGTTCCAATAAATGGGTTAGAGATCATGGATTTAATCCATG
GTGGCCGCTTACCTAAAAAATAGTTTCTACAAGTT

>trans_s_1430 XM_002888945|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata galactosyltransferase family
protein, mRNA

TTGAAGGGGGATTGGAGTGGAAGCCAGTGATTGAAATGAACACATGTTACAGGATGCAGTGGGGCTCGGC
CCATCGCTGCGAAGGCTGGAAGTCCAAGGCCAACGAAGATGCAGTCGATGGCCAGGTGAAGTGCGAAAAGT
GGATCAGAGATGACGAGGGGAACGAAGAGCAGTCAAAGGCTACATGGTGGTTAAACCGACTGATTGGTCGA

ACAAAAAGAATGGATATAGACTGGCCTTATCCCTTTGCTGAAGACAAGCTCTTTGTCCTAACACTTAGCGCAG
GATTTGAAGGTTACCATGTGAATGTTGATGGGAAACATATTGTTTCTTCCCTTATCGCACTGGTTTTGCTCTCG
AAGACGCCACTGGATTATCTGTCATTGGGGACATTGATGTCCAGTCCGTGTTGGCTGCTTCTTTGCCACGATCA
CATCCTAGTTTTGCTCCTCAGCAGCACCTCGAGATGTCAACGAGATGGCAAGCACCACCTTCTCTGATGGCGA
GGTAGATCTTTTTATTTGGTATCCTTTCTGCTGCCAACCATTTTCTGTAACGGATGGCAGTAAGGAAGTCGTGG
ATGCGACATAAACTCATAAGGTCGTCAAAGATTGTTGCTCGATTTTTGTAGCACTTCATGCAAGAAAGGAAG
TAAATGTTGAGTTGAAGAAAGAAGCTGAGTTTTTTGGGGATATAGTTATAGTGCCTTACATGGATAACTACGA
CCTTGTTGGTTTTGAAAAGTGTGGCCATCTGTGAACATGGGGTTCATGCGGTGCCTGCAAATACATTATGAAA
TGTGATGACGATACGTTTGTAAGTGGATTCAATCATGAATGAAATTAAGAGAGTATCTGGCACCGGGAGC
GTGTACATTGGCAACATAAATTACTACCACAAGCCCCTGCGCTACGGAAAATGGGCCGTACGTATGAGGAAT
GGCCAGAAGAAGATTATCCGCCTTACGCAAATGGACCGGGGTACATAGTGCATCTGATATTGCTCAGTTTGT
CACATCAGACTTCGAGAGACGTAAATTGAGGTTATTTAAGATGGGGGATGT

>trans_s_1431 AY169405|Glycine max ferrous ion membrane transport protein DMT1 (DMT1)
mRNA, complete cds

GGCACCTATGCAGGACAGTTTATAATGAGTGGATTCTTGAAGTTGAAAGTTGAAAAATGGCTAAGAGCTTTGA
TAACTCGAAGCTTTGCAATCGTGCCCACTATGATTGTTGCTCTTGATTGAAACTCCGACTCCATGGTGGAT
GTTCTGAATGAATGGCTCAACGTCTCCAGTCAATTCAGATTCCCTTTGCTCTGATTCTTCTGTGTTGGCT
TCAAAGGAACATCTAATGGGTACTTTTAGAATTGGCCCCGTTTTAAAGACAACCTTTGGCTGGTGGCAGTTTT
GGTCATGGCCATCAACGGGTATCTTCTGGTGAGCTTCTTCTCATCAGAAGTGAACGGAGTGCTCATTGCCATTT
TTGTGTTCTGCTTCATTGCTGCATATCTGCCTTTGTTGTTACCTTGCTATCGGAGCATTTCGTTTACAAGTTG
GCACAACTTCATTAACCGGAAGACTTACCTGGGCAATGGAACTGAGTGATCATCTTCAACTTCGACTCTGACT
TGTTTTAGATTGCAGATCGATGATTGTCAAATAATTGCCTTGCTCTAGCATCTGTTAGTCCTCTAGCATCTGT
TAAAATGCAGTTGGGGAACACTTCCAGAAGTAATATACCGGTCAGTTAAAGATATATGAATTGTGATTTGAC
ATGCTTTTCTTCAGAAAAGCTGTTTTGTTTATTCTGTATTATAGTTGTTCATTTTTCTGTTTTCATAGTCAAATG
AAAAAGCAGATTGTAGGCTATGCTGCGGCCTTAAATATGGTGGTGATTTAAAGTCTATGTAGTTTTAGTAGTC
ATAGGTTAGGTTATATTTATGTCATTAGAGTGTTCTAAATTTACTTGGCACGAACCTACTCATCACTCGATCTA
ATACTGAAATGCGATCTTAAATGATTAAGCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCC
GCCCCCAAAAAATTTATCAATACCCCCAACCCCA

>trans_s_1432 AF462817|Arabidopsis thaliana AT5g49220/K21P3_10 mRNA sequence

CAGCCAGTTGGGTCTCTGTAGCGTGGTACCCTATATACCGTATACCCACGGTCCGACCTTAAAAGATTTGGA
TGCATGCTTTTTAACATACCACTCCCTTTCCACACCCAAAAAAGGTAATAGACATAGCCTGCCACCAGTAATGG
TATATCCCAAGGACATCGATGATATTACAAAGATCTCCTTGCTGTTTTTGAATGGCTTCTTATAAGCTAAAA
GGATCAATATGGGGGCAAAATGGCATCAACGACCATCAAAAAGCAAATTCCTCATGCAGGCGGCAGATAAG
TGGTTGAGGAGCCTTCAGGTCACTCAACCTGATTTTCAGTTCTTTTCATCTCATGGAACATATTGGAGATGACA
GATGATGACTACTTATATGTCTACTTCTCTGTTGCCATTTGAACTGTCGAAATAATGAGCTCGTGCCCTTATCA
ACTATTTTACTTGCACCCATACTGGTGAGGATACTTTTTGATTTGGGTGGTTGGTTTTTCTGGGAATATATTT
CAAGGAGGCAATTAAGGAAAAAGCCCAGAACAACTAGTTAGAACCATTGCAAAATGGGCGAGGAGAGCAA
TAAGTGAGAAATGTTGGGAGTAGAAATATCAGAAAAGGGCTCATCATTTGAAGGGCGGCAAAAGTAATATG
GACTTGAAACTAGTGGCAATCAGGATGGAAGGGTATCGTTTTACGCTCTCCTCGGAACTTGTGTGAAGCTA
TTCTCTATTTCTACACTCCCAATTTAAAATCATCGTTTCTCTGTTTTGTAACTTGAAATACAAATTGCTGCTC
TGTATATTTCTATATGCCTTTTATGTTGGATATCTTTTAGATTTACTCATAAGTATAGATGAAAATAGAAATA

TTATCTCCGTCCCATTATTTTATATTTTAAATATGGATTGAATAGGAGGAATCATATTCCCCATCCAATAGAGAGAG
AAGCTGAACCATTAACTATTCGGAAGGGAATTTGGAAAATGAGAATCAACATTCTTTTTCTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1433 AY106899|Zea mays PCO110557 mRNA sequence

ATTTTCATTACTCATTCCAATCAAAAGGGTCCTCCTGATCTCACAGTCTTCTCCTCTTTCAATTCCTCTCGCCCG
AACCTAACCCCGAACACCTCTTCACCAATGGCCGCCGTCTCCAAAGTTTCTCTCGTGGCTCTCATTGCCATCA
TCTTCACCGTTGCTTCCGTTGCCGCTCAGGAGGCTCCGGCTCCAGTCCGGCCTCCCCTGCCACCTCTATTGCTC
CTTCGGTCTGCTCCGTTGCCTCGCTGCCTTCTGTTGCTCTCGCTTCGGATCTACTCTTAGGATCTGAGGTATCG
GCCTTCGATGTGGTGATTGATTTGCCATGGACTCTCCATGTATTTGTGATCTGCTTTTCTTTTTTTATCTCT
CTTGAAGTATAACCTTGCGCGGCGGAGGAATTTGTTTTAGATGTTTTCTAAGGGACTTTAATTTCTACACGTT
TGGTACAGAGGACCTCTTTTGTACACATTCTATATATAGAATGCAGGTTGTGTTGGTTTGATCAGATTGT
GCTATATTTTGTGGTTTTGATTAGTAAATAAATTGTTTCGTTCTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCCCCCAA
AAAAATAAAAAAACCCCAACCCCAAGGGGGGCCCCGACCCCAATCCCCCAAAAAAGAACACAAAAAAC
CCCCCCCCCGCCCCCTTTTAAACACTCAGGAAGGAAAAAACCCGGGTTACCCCAATAAAACCCCTTTA
AAAAAACCCCTTTTCCCATTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAACCCCTCCAAAAATACCCA
ACCAAAAAAGAAAAAGGAACCCCTTAAAAACCAAAAAACCCGGGCGGGGGGGGGTTACCCCAAA
GGCCCCCATAAATATCCAAACCCCAACCCCTTT

>trans_s_1434 NM_115504|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, zinc-binding dehydrogenase
family protein (AT3G56460) mRNA, complete cds

AAACACATAGGAATTAGCTTGGGGTTTGAGGGCGAAATATTGAGCTAAGTAAAAATGGAAGCGCTGGTTTGC
AGGAAGCTCGGAGATCCAACAATATCGTCGCCAAGCGATGAGAATTCACCAAGTAGTATTGAGTAAAAACCAT
CCGATTCCGCAATTGGATTCTCCAACGTCGGTCAGAGTTCAGATTAAAGCTACAAGTTTAAATTACGCCAATTA
CCTTCAGATTCTTGAAAATACCAAGAGAACTTCTCTTCTTTCATCCCTGGTTCTGATTACTCTGGAATCGT
CGTTGCTGTTGGCTCTAAAGTTTCAAATTCAGAGTCGGAGATCGGGTTTGTTCCTTGTGCGACGGTTCTT
TTGCTCAATTCATCGTTGCCGAGGAGTCGCGATTATCCGAGTACCTGATGGATGCGATCTGGTGGCCGCCGG
CGCACTTCGGTTGCGTTCGGGACCTCGCATGTTGCTCTGTACATAGAGCCAAGTTGGCTCTGGACAGGTA
CTGTTGGTTCTTGGGCGAGCTGGAGGTGTTGGGCTAGCTGCCATTCAAATCGGGAAGGTCTGCGGTGCAGTT
GTTATTGCCGTTGCTAGGGGAGCTAAAAAGGTAGAGTATCTCAAGTCCTTGGGAGTTGACCATGTAGTAGACT
TGAATCATCAAAATGTCATTGAAAATGTGAGAGCCTTCTCAAGGAAAGAAAACCTTAAAGGGGTTGATGTTTT
GTATGACCCAGTTGGAGGAAAGTTGACAAAAGATTCAATGAACTTCTAACTGGAGTGCAAACATTCTCGTG
ATCGGGTTTGCCAGCGGGGAGATCCCTGTTATTCCACGAATATCTCTTGTGAAGATTGGACAGTTCATGG
ACTTTATTGGGGCAGCTATGCCATACATAGACCTCGAGTTCTTGAAGAGTCTATGAATCAGCTATTATCGTGGT
TATCGACTGGATCGATCCGTGTTACATTTCTACATTTATAGCCATTAGAGGCCAACCATGCCTTTTATGCCA
TAAAGAACAGAGAAGCGGTTGGAAAAGTGGNTGTTGGTTTTT

>trans_s_1435 AY059934|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g38820; F13I13.5) mRNA,
complete cds

ATGTCAAAAAAAAAAATGAGCTCATCTTTAATAATTCTCTCAATTCTATATATATATTTACACCTGATCTCTTCTT
CATATATACACCCACCGCCATAGCCCAAAACTCACCAAAGTTTAAACCCTCTCATCTCTTTCCTTTGTTAAGA
AGTGAAGGAAGGAAGAAAAAAGAAAAATACATATATATGGGAAGTTTGAAGAGGAAAAATTAGCTCAA

ATGGTTGATGATTTTATCGAATCAGTTGATCATCATCATCAATCACCAACTTCTTCTTTCTCTTTCTTCCA
ATTCCAATTCCCATTGTCTTTTACATTAAAGGAGATTCTTGGGAATGGAACGAAGGAAGAAGAAGAGGTGG
GTGAGAGTGTGATGAAACACTTGAGAAGGTGGAAAACATCATCAGATGCTAATTCTTCCAAAACCAATAGCCT
TAGGAAATGGCTTGTGATGAAGCTGAAAATGGAGGGATATGATTCTTCTCATCTTTCTCATACCTCTTGGGTCA
CTTCCATGGGCTGCCCAGCAGGGGATTATGAATACATAGAGATGAGAATGAAGGGTGAGAGACTGATAATA
GACATAGAATTCAAAGCTCAGTTTGAAGTAGCAAGAGCAACAGAAGAATACAAACAGCTCACAAAAGCACTT
CCATCTGTGTTTGTAGGAAGTGAAGAGAAAAGTTAAGAGAATAATAAGTGTTTTATGTTTCAGCAGCTAAGCAAT
CCCTGAAGAAGAGTGGTCTTCACATTCCCCCTTGGAGAAGTTCCACTTATATGCATGCCAATGGCTTCTTCTC
ACCTTCATCATCACTCTAATCATCATATTAATTATATCCCTACTAATAATATCAATATTAATTAACATTAGTAC
ACCAAATAGTAATAATAATAATCATAACAATAAATTCTACTATTGGAAGCCTCCAATGGTGAATTAATTAT
TATTATTATTAACCAAATTTCAAGGAGAGGTTTTAATTAATTTGGGGTGTGGTGCTTCTGCATTTTTGTCTAT
TCAATTTTCTGATATCACTATTAATTGGTGTGTTG

>trans_s_1436 AB489996|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitLhc mRNA for light-harvesting complex
II protein, complete cds

AAAACCATGGTTGCAACTTCTGGTGCTGTGCTTAATGGATTGGGCTCACCCCTCCTCCCGTGGAAGTAGCAGA
ACTCGGACCTTGCTGGCCGGAGCTAGAGGTGGTGTCAATGTTGTGAGTTCTAGCAAGCTTGTGTCATCGCTG
CTGCTCAGCCTAAGAAGTCTTGGATCCCTGGTGTTAGGGGTGGTGGCAACTTGGTCGACCCAGAATGGCTTG
ATGGCTCGTATGTTTCTTTTACTTTCTTCAAGTTAGCACATTGTTTGGTTATTGTTTTGAACTTGTTCCATTGTA
GACTTCAGGTGACTACGGCTTCGACCCATTGGGTTTGGGGAAGGACCCAGCATTTTTGAAGTGGTATAGAG
AAGCAGAGCTGATCCACGGGCGGTGGGCAATGGCAGCAGTGGTCGGAATCTTCGTCGGACAAGCCTGGAGT
GGAATCCCATGGTTCGAAGCCGGAGCAGATCCAGGCGCAATTGCTCCATTCTCCTTCGGATCACTTCTAGGAA
CCCAGCTTCTGCTGATGGGATGGGTTGAAAGCAAACGATGGGTGGATTCTTCAACCCAGAATCTCAATCGGT
GGAATGGGCAACGCCATGGTCGAGGACGGCAGAGAATTCGCAAACGCTACCGGAGAACAAGGGTATCCCG
GAGGAAAATTCTTCGATCCATTGGGATTTGCAGGAACTCTTAAAGATGGGGTTTACATTCCAGACACGGAGAA
ATTGGAGAGATTGAAGTTGGCAGAAATCAAGCATGCTAGGATCGCCATGTTAGCAATGCTCATCTTCTACTTT
GAAGCTGGACAAGGGAAGACACCATTTGGGTGCTCTTGGATTGTAAAAACAAGAAAAAATTGTTGATGTGAAG
ATAAAATTGTTCAATTTCTACTAAGAAAAAAGGGATTGAACATGTGTTGATGATTTTGAGATAGATTTTG
AAAGGGGTTTTGTTGGAGCCCTAAAATCAAACTTCAAAATTGAGTGTTTGCCATTTCCAAAGTCTACCCCTTG
CGTGTTTTCAATTTTAGTTGATTGAATCGCTTAAAGTTGATGGTGTT

>trans_s_1437 GQ455410|Citrus sinensis cultivar Pera ubiquitin-conjugating enzyme variant mRNA,
complete cds

CCTTTTTTAACCTATCGATTCCATAAGACTTCAAGTTGTCCTCGTTATTCTTCTTATTCTGTCTTTATCTTCTTA
GATTCTTCTTCTCAAGTGTCTATTTCCTCTCACTCTTCGATCAGATCCTTGCTTGCTGATCGCAATTAACCATT
TTTATTTATCTATGACGCTCGGTTCCAGGAGGCTCGAGTGTTGTTGTTCCAGGAACCTCAGGTTGCTGGAGGA
ACTTGAACGTGGAGAAAAGGGCATTGGCGATGGTACTGTAAGCTATGGAATGGATGATGGAGATGATATTTA
TATGCGTTCGTGGACTGGCACCATTATTGGTCCACACAATACGGTACATGAAGGTAGAATTTATCAGTTGAAG
CTGTTCTGTGACAAAGATTACCCTGAGAAGCCACCAAGTGTTGTTTTTATTCAAGAGTCAACATGACATGCGT
AAACCATGAACTGGAGTGGTTGAGTCAAAGAAATTTGGACTTCTTGCAAATTGGCAGCGAGAGTACACCAT
GGAGGATATACTCACACAGCTGAAAAAGGAAATGGCAGCTCCACATAACCGAAAGCTGGTCCAACCTCCCGA
GGGTACATACTTCTAGTTCCAAGATCATGTAAACATGATCATATGGTGTGCAATATGCAAATATAGTTTGCAAT
GCTGTGTAATTCTGTGGAAATTGATCACATTCCAGGAAAGAACCAAAATCTTGATGATGATTAGCATTGCTTCA
TCGTTGATCAATAGTATTTTTCTTGTCATTCTGTGTTAAGGGATGGTCTTCTAATGATGGAAATGTGTCGAAAT

ACAAATTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGG
CCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTTAAACCCCCCAACCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCAAAAG
GGAGCTAATTTCCCCCCTCTGGGCCCTTTTTTACAAC

>trans_s_1438 XM_002868997|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L8, mRNA

AGGATCGCTGCGGTACCGAACTGAAATCTCGATCTCGCGGAGCCGCATGGGAAGAGTCATTCTGTCTCA
ACGTAAGGGAGCGGGATCTGTCTTCAGGTCCCATACACATCATCGGAAGGGTCCGGCCAGGTTTAGAAGTCT
TGATTTGCGCGAACGAAATGGTTATCTGAAAGGAGTCGTCACTGAGATTATTCACGACCCTGGCCGTGGAGC
GCCACTTGCTCGAGTTTCCTTCGCCATCCTTTCAGGTATAAGAAACAGAATGAGCTGTTGTTGCGGCCGAG
GGTATGTACACTGGCCAATTTGTTTACTGCGGGAAGAAAGCAAATCTTGTGGTTGGAAATGTCTTGCCCATCA
GGTCGATCCCTGAAGGTGCCGTGCTCTGCAACGTTGAACACCATGTTGGTGATCGTGGTGTGTTTGCCAGGTG
TTCGGGAGACTACGCTATTGTTATCAGTCACAATCCCATAACGACACATCCAGGATCAAGCTTCCATCCGGTG
CGAAGAAAATAGTTCCAAGTGGGTGCCGTGCCATGGTTGGTCAGGTTGCAGGTGGAGGCAGGACTGAGAAG
CCCCTCTGAAGGCTGGTAATGCTTACCATAAATTTAGAGTGAAGAGGAACTGCTGGCCGAAGGTCCGTGGT
GTTGCAATGAATCCCGTTGAGCATCCTCATGGAGGAGGTAACCATCAACACATTGGACATGCCAGCACAGTCA
GACGGGATGCTCCTCCGGGTCAAAGGTTGGTCTCATTGCAGCAAGAAGAACTGGTAGGCTCAGAGGACAA
GCTGCAGCAACTGCCGCTAAAGCCGATAAGGCATAGACAGTATTATAATTTAGATTGTTACTTCGGTTTTGAG
ATCATTTTCAATTTACTTTTATCTATCAATTTTCCAAGACTAGTCGTGTACGACCAATATAACTTTTTGAGAACT
GTTATCGAGTTTCTGTCTTCACAAATTTGAAATTTTGGTTTGTGTTTTCCCGTATGAGTTTGTCCGATAAATATT
TGGCTGATTCTTATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1439 NM_120106|Arabidopsis thaliana SAMC1 (S-ADENOSYLMETHIONINE CARRIER 1); S-adenosylmethionine transmembrane transporter/ binding (SAMC1) mRNA, complete cds

ATTCCGCCATTACACGTCGACCGTCACCGGACATAGCAGCCTATTCAGAGTACCAACGGACGCCAAAACCTCC
TCCTTAACTTCTTCAGTTCGATTCAAGAAAAGCCTTTCGCACGTGTCAGCATGAAGGAAGAGAAGCCATTTTCA
TTTTTTCGCGGACTCGTATTTGAGGGTGTATAGCAGGAGGTACGGCGGGTGTGGTTGTTGAGACAGCTTTAT
ACCCCATTTGATACAATTAAGACACGGCTACAGGCTGTGCGCGGAGGTGGACAGATCGTATTGAAGGGACTTT
ATGCTGGTTTTGGGAGGAAACATTGCTGGTGTGCTGCCGGCTTCTGCTTTATTTGTTGGCGTGTATGAACCCAC
CAAGCAGAAATCCTAAGGACTTTTCTGAAAGCCTTAGTGCCCTAGCCCATTTTACGGCTGGTGCATAGGTG
GTATTGCTGCTCCTCTCATTCTGTGTTCCAACAGAGGTTGTTAAACAACGGATGCAAACTGGACAATTTGCATCA
GCTCCAGATGCTGTACGCCTGATTGCCACAAAAGAAGGTTTTAAAGGACTCTATGCAGCAAAGCGGGAATTG
AATGATCCTGAAAATGCTATTATTGGAGCTTTTGCAGGTGCATTAAGTGGAGCTATAACCACTCCCCTTGACGT
CATTAAAGACAAGATTGATGGTTCAGGGTCTGCAAATCAGTATAAGGGAATTGTTGACTGTGTCCAAACGATT
GTCANGGGAGGAAGGAGCTCCTGCTCTTTGAAGGGTATTGGACCTCGAGTTCTATGGATAGGAATTGGTGG
TTCCATTTTCTTCGGCGTCTTGAAGACACAAAGCGTTTACTAGCAGAGAGGCGTCCCAACCGCAAAGACCCA
AAACAAGAGTAAAGCGTTCTTACAATCCATCTAAAATCTATAATTAGTAGTCATTGCTAGTGGTGCTTCATTTG
ATTTATGAGGTTATGAGGATATAACAATGGGATGGACTATGAAATGAGAAAGAGTTGTAGACTACTTGATTCT
TTGTAGAACAGTGACTGAACACTGAAAATAATGAATCAGTTGCTT

>trans_s_1440 NM_116182|Arabidopsis thaliana chalcone isomerase (AT3G63170) mRNA, complete cds

AAAAAAAAAATGGTATCTCTCCGCTTCCCATTTCTTTCTCAGCCACCAAAGCCCCCGTCGTAGCTTTCTCC
GACCCTCGTACGCTGTCGCTGTCGCTGCCGGCGGCGCTGCGGCGGCAGTCGGATTTGTCTATGCAGCTAGGA

>trans_s_1441 NM_001057074|Oryza sativa Japonica Group Os03g0577000 (Os03g0577000)
mRNA, complete cds

>trans_s_1442 AL161513|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 25

TGATCAAACCATCGTCATCGTCGTCAATCCATTTCAATTCTCACTTCTTTTTGCAATGGAACAGCCGCACTC
TCATCAATCTTCTTATCGCCGGACATTTATGCCCCTGACCTCTTCTTCTTCCCCCTCCGCCACGAGGATTCT
ACTGGCGCATGTGGAACCTGCCGCAAGTGCGGGGACCCTACCACTTTTGCACCGCCGCCTCTGTCTTGACCT
CCGAAGTTTACCACCTCCAAATTATCGCCCTATTAGAGCTCCGGCCATCAATCTCCCTCCGAATGAACAGTCTC
GGCAAGCCATAATTCTCTGCCAGTTCCTCAATCGGAGAAGGTACTTCCCGTTGCGCCTCCTTTTCTTTTCAAG
CTCCCTCCAAGAAAATCCAATCGCCTGACCATATCCGTAGCTTCAACGATTCTGATACCGGCAAGAATTCCTA
GGTTTTATTGTTGCCCTCTCTGAATCCATGCGTGCCACAAAATATCTGATCCCTGTCATCAATCGGACACCGT
GAATACCATTATTTCAATTCTTCATACGTTGATTGATTGGGTTGATGAAATTCCTCCCACTGAGCAAGCAGCTC
GATACGGCAATGTTTCGTACCAAACCTTGGCACTCTCGCTTGGTCGAAAACAGCGAGGATTCGTGATACGACT
TCTTCCCGACGATTGGAGATCCGCCACTGTTGAATTAGTCCCGTATTTCACTGATAGCTTCGGAAATTCGAGCC
GTATCGATTACGGCACGGGTACGAAACTAATTTTCGCTGCCTGGTTGTATTGCTTGGCGCGGTTGGGGATTAT

>trans_s_1443 NM_128443|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G28840) mRNA,
complete cds

>trans s 1444 D30801|Zinnia elegans mRNA for TED3, complete cds

>trans_s_1445 AB063191|Cucumis melo CmEIL1 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

TTTGCCCCGCCCAAGTCAAATGCACCCCCGGTCAGCTCAGTTCGGTCATCTTTCGACCTGTCCACTTTAGGCGTT
CCAGAAGATGGCCAAAAGTTGATCAGTGAGCTCATGTGATCTACGACACCAACATCCAAGGAAACAAGAAC
AACTTAAACACTGGTAACAGTGCCACCACAGAGAACCAAAATCTCCCTCAATTAAAGATCCAACCTCAACAAG

ATGATTACTTCCGCAATCAAGGTCTAATGATGGAGGGAACTTCTTCGATGGCTCAAATGTTTCGAGCAGCCA
TCAAATGTTTACAAGAGATGAAGGTCAATTCGACCGATTAAAGCCAATGAATTCGCCTTTCGAAAACAACCAC
CATCATCACAACAATAAACAACAACCTCCACTTGATGTTTAGCTCTCCATTGATTTGTGACCTTCGACTAC
AAAGAAGAAGTACCCGGCGTAGCAGCCATCGACACACTGTGAAACAGCAGGATATTCCATTATGGTATCATT
AAGCCTGCTCTCACTCCCATGCTTTATCGACGTATTCTTCCGTCAAAGCATCAGCAGCAACATCAGCTGCAG
CAGTGAAATTCATAGCAGTTCTTTTACAGTTCGAGTATCTCTCTCTCTCATGGGGTTTGCTTTTGCTTTT
ACTAGGAACCAGTCAAAGTTACCTTTTGGGGTTTGCTAACTTGGTGCTATGTTATCTGAAAAGAAATGTTTGG
TGTTACATCCTACTTGGTCATTCAAACAATGGATGGATAATGTCATTTTAGCTTGTAAGTATATCTTTAAGGT
CATCATGTAATGTAAGTCTTTAAGTTTCTCCAATAGACTGATAAATAAGTGGAGAGAATCCTTTTAGTACTCTA
CTTACTCTGCCCTGTTGGTGATTATATATCAAATGATTGTCTATATGAAATAACTATTTCAACAATCTTACATT
CCTTTATGTCATCTCTTCATTTTAGTGTTGCAAAGTGAAAGTTAATAGAAGTTAAAGTTGTTGGAGGGTACA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1446 NM_127297|Arabidopsis thaliana NTRA (NADPH-DEPENDENT THIOREDOXIN
REDUCTASE A); thioredoxin-disulfide reductase (NTRA) mRNA, complete cds

AAAAAACTAAAAAAAAGATAAAAGTAGAAATAAAAATCAGAATGAAAAGAGGCTTTGGCTTTGGAGGGAA
TGGAATAATAATAAAAGAGGGTTGAATACCATTCTAGCTTACTGCGAAAAGCGCTATATTCAATTCGCCGC
GCCTCTGTCCCTCCTTCTCTATATCTTCCGCTCCCATCTCTCCAAGTCAACGACCTCAGAATCAATGGCGGAT
GCTACCGAGACTCTTAAAACCAAGCTTTGCGTTATTGGAAGTGGCCCTGCTGCCCACACTGCTGCCATATACGC
TGCCCGCGCGGAGCTCAAGCCTATTCTCTTGAAGGATGGATGGCCAACAACATCGCCCCGCGGCCAGCTC
ACTACAACAACCGACGTTGAAAACCTCCCTGGATTCCCCGAGGGCATTCTTGGCATCGAACTCATGGACCGTT
GTCGCAACCAGTCGCTTCGCTTTGGCACTCAGATCTACTCCGAGACCGTAACCAAGGTCGATTCTCATCCAAG
CCATTTAAGGTCTTTGCTGATTCAAAAACCGTCTCGCCGATTCTGTGATTGTCGCCACTGGTGCGGTTGCCAA
GCGATTGACATTTCTGGCTCCGGCGAAGGGAATGGGTTCTGGAATCGAGGCATTTGGGCTTGCCTGTCTGT
GATGGCGCTGCGCCTATTTTCAGAAACAAGCCCTTGGCGGTCATTGGGGGCGGAGATTCCGCCATGGAAGAA
GCCAATTTCTCACCAAGTATGGCTCCAAAGTGATATTATCCACCGAAGAGACACTTTCAGAGCTTCCAAGAT
CATGCAACAGCGCGTCTCCAGCAACCCTAAAATCGAGGTGATCTGGAATTCGGTGGTTAAGGAAGCTTATGG
CGACGCTAACGGGCGAGTCTGGGAGGTCTGAAGGTCCATAATCTGATCTCCGGAAGGTTTCTGATTTGGA
AGTTTCCGGATTGTTCTTCGCTATTGGTCACGAACCAGCCACCAAATTCTTAGCTGGACAACCTCAACTCGATT
CTGATGGGTATGTGTTGACAAAACCCAGGACGACGCAGACC

>trans_s_1447 XM_002875304|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

AAACCAAATGAGAACTACGATTTAATCGTATGTTGTGATGGGAGCAAAATCTAGGGTTCTTTCTCATTTCAAGA
TCTCTTCCCGCGATTCTTTAACCTCTCTCTTCTCTTTAAACAATTTCTCCATTTAAAAGATAAAGCTTCTGATT
CTTACATCTCTCTCCGCATCTTCTTACTCAGGTTTTGCTGTTTTTCAATTCCTCTAGGTACCGGTAGATTGCTTG
GGTGATTTTGTGTGGGAGGATTTTTCAGGGGAAGTTGCTACTGGCGATGAAGCTGGTGCTTTACTGGTAGAC
CTCAAATGCCGACGAAGATTTGATCGAGCTTAAGTTCCGACTTTATGATGGATCGGATATCGGTCCATTTCTGT
TATTCCTCAACTTCAACTATAGCCATGGTTAAGGAGAGGATTGTTGCAGAATGGCCTAAAGATAAGAAAGTTA
TACCAAGGCAGCAAATGACGTAAACTGATCAATGCTGGCAAGATTTTAGAAAACAACAAGACTGTTGGTCA
ATGTCGAGTGCCTTTCGGTGATCTTCTATAGGAGTTATTACTATGCATGTCGTGGTTCAGCCAACCTATAGCAA
AAGCAAAAGCAGAAAAGAAGGTTGACGAGACCCCAACAAAAACGTATGTTCTGTGTTCCATATTGTAGGAAG
GACGGATGAAAGGTAAGGAAGCTTGAGATTTGCCAGGGGCTAGTTCCAGCCAGCCTAATTGGGGTCGCATTA
AAGTTGTAGCTTGCAAGAGAATATAATATCAATGTATTACAAAGTTTGAATGCCTGATTAATTACATGGTTTCT
TTCTGGATGATCCTGCGTGTCAACACGAATATGTAATATCGTGTGAGTCTATAGAATGAGTAGTAGTCTGAAG

TATGTAATGTAGGCAGGTTTCGATTGTTTCAAATTATTTTTACAGAAAGAGATGAGGGGTCGACTTTGATCCC
AAGATTTGTACGTCATACATCTGAATTCAGCACGTGTAAAACTAAACCAAACCTGGACCTCCCATAAATTTCTAC
AGTTAATGTTTTGAATCTTTACTCTGCCCCC

>trans_s_1448 NM_121224|Arabidopsis thaliana NLI interacting factor (NIF) family protein
(AT5G11860) mRNA, complete cds

ACTATGGCAGCTGAAGTTCATGTTCAAGATGATGAATATGAAGAAATAGATGATTTTGATCCTTATTTCTTCAT
CAAGAATCTACCTGCTTTATCAGCGGTTGTCCCACTTATCGACCTATGCTACTACCGAAACAGACTCGGAGTT
GTCCTCCCACGACTCTTGTTTTGGACTTGGATGAACTCTGGTGCACTTACACTTGAGCCATGTGTGCGATGCT
GATTTTACATTTCTGTAAATTTCAACCTCCAGGAGCATACAGTTTACGTTGCGATGCCGGCCTTATCTCAGAGAT
TTCATGGAAGCGGTTGCCCCGACATTTGAGATTATCATTTTTACAGCTAGTCAGAGTATTTATGCAGAGCAGCT
CCTGAATGTTCTTGATCCAAAGAGGAAAATATTTGACATCGGGTTTTCCGCGAATCATGTGTTTTGTGGATG
GAACTACCTCAAAGATTTATCTGTTCTTGGGCGTGATTTGGCACGTGTTATTATTGTGCGATAATTCTCCACAG
GCGTTGCGGTTTTCAAGTGGACAATGGAATACCAATAGAGAGCTGGTTTGATGATCGATCAGATAAAGAGTTG
CTTTTATTACTTCCATTTTTGGAAACACTGGTGGGAGTTGAAGACGTGAGACCACTCATTGCTAAAAAGTTCAA
CCTTAGACAAAAAATTGCCGCTGCTGTTTATCCTTCACTGAATTCAAATAGAGACCCCTTGAAATGCAAGCCT
CTAATATGTATTAAGATTTTGTGAAGGTTGTTGGAATAAGAACTATCAATATTCTCCCTATTTAACTCATTGCT
TTCTTCCTAGAGTATTTTTAGATTTATTTACTTTTTCCAATCAACAAGGAAAAAAAAAAGTTCTTAGTTCAGTTGG
AGCAACGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAATTCATAGTATCAGGTGCCAGTGTTTGATTGAGAGATGATGCA
TATTCCTCAAATACTGGATAGGTGAGTTTTTTGGGAGAATATATAAATATATATTTCTTTCATGTGTACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1449 NM_119032|Arabidopsis thaliana ckl3 (Casein Kinase I-like 3); ATP binding / kinase/
protein kinase/ protein serine/threonine kinase (ckl3) mRNA, complete cds

CAGTGGAATTCGCTTCATACTTCCATTACTGTCACTCTCTGACATTTGATCAGCGACCTGATTATGGATTCTTAA
AGCGATTGTTCCGTGACTTGTTTGCTCGTGAAGAATATGAATTTGATTATGTTTTGACTGGACAATCATAAAA
TACCAGCAGTCACAGAAGAACAGAACTCAGCCACGAGTATCTCCGGTTGTTGGTGGTACACATAATCATCATG
CCACACCTATGGAAGGGGAAAATCGTCAAGGTGGGTTTAATACCTATTCATCAGCAGAGGTTACGGATCGTGT
TAGATCTGATAATGTTTCAAGCCCCGAGTGCGACTGCATTTCAAACAACCAACTCCAAAGAATTTGAGTTCTG
ACAATGCTCTTGACATGAATGCTCTAAATGATTCTCGCATGGCTACTTCATCATTTACACCTGCTGGTAGCTCAA
GAGGAAATTCTTCTAAACCGTTGCAGTCAACCGAATCTCAAACCGTGTACAGGGAAATGGTCACAGGATTGG
CCCTTCAAGTAGCTGGATTTTCATCATTACAGAGAATCTCATCTGCCAAGTGATCAAAATGATCTGGCCAGGACA
CTATTCTAAGCTCTACATCTATGAAGCTGCAAATTGTGATGATTTGATGTTATCTTTTTGCAATGTAATTGAAGA
GATTCTGATGATTTATTGGCAGAAGCTACAACATGCTTGCTCGTAAAATGTGTTAGTCCCTGAACTATTGCAAG
CTCAATGTTATTCCTTTTTTTGCAAAGGTGACTAAAAATGCTTTGGTGGTTACAGAATTCCAACCTTTCTAAAGCA
TGGCTTCTGCTGTGTAAATAGAAGTGAATCACAGCAATCTTGACCTATGGTTCTATGTAACATTACTCGTGTG
AAAGAATGTCGTGCTTTTAAACCAATTTTTGTTACTATACTTTTAAAGATTCTTTTGAAGGCAATATCGATGGG
TAGTACTTGTTTCATATTGCCAATAATATCTCTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1450 AF203882|Astragalus sinicus dynamin homolog (DH1) mRNA, complete cds

CAAAGGATAAAAAGGCTAATGGGCCAGATTCTGGAAAAGGATCAAGTCTTGTGTTTAAGATTACCAGCAAAG
TTCCATATAAACTGTTTTAAAGCCCATAGTGCTGTTATTTGAAAGCGGAAAGTGCTGCAGACAAGGTGGA
ATGGACAAACAAGATACGCAATGTCATTCAACCATCCAAAGGAGGACAGACAAGAGGAGCATCCTCCGAAGG

TGGTCTTACCCTGCGGCAGAGTTTATCTGATGGTTCCTAGATACTATGGCTCGAAAACCTGCTGATCCTGAAG
AAGAGCTGCGGTGGATGTCTCAAGAAGTTCGTGGTTATGTTGAGGCAGTTTTGAATAGTTTGGCTGCAAATGT
TCCCAAGGCGGTTGTGCTTTGTCAAGTCGAGAAGGCAAAGGAAGACATGCTTAATCAATTATATAGCTCGATC
AGTGCCCAAAGCTCAGCCAAGATTGAGGAGCTTCTCCAGGAGGATCAGAATGTTAAACGAAGGAGAGAACGT
TATCAAAAACAATCCTCTCTCTTTCAAACCTTACTCGTCAGCTCAGCATTATGATAATCGTGCAGCTGCTACT
GGTTGGTCCGATAGTGGTTCAGAAAGTAGTCCCAAACTAGCGGATCACCTGGAGATGAATGGAGATCTGCA
TTTGATGCTGCTGCTAATGGTCGGGCTGACTACAGAAGATCTTCTTCCAATGGCCACAGTGATGCCACACAAA
ACGGTGACATAAACTCAGGTTCAAACCTCAGCAGCCGTCGTACTCCAAACCGATTGCCACCAGCACCTCCGCA
GTCTTCTTCTGGCTCCAGATACTTCTAGCATGGCATCAGATCTTACTTGATGATTCATATTGTCTCTACTACGAC
ATTGGGTGATATTAAGCTCCACTTCATGATTCATTTAGTGATCTCCTCAAGTTCATATTCTACTAGAACTTAAA
AAGTGAGAGAGGTTTGTGTATATACGACATTTCTTAGTATCAGGTTATACTGTTGTCTTCATTATTAATACAA
GACTAGATTGAAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1451 BT010430|Arabidopsis thaliana At3g01410 mRNA, complete cds

ATTACCGCTCCTTCCACTTCTTCACTCTACGCTAACTCTTTTCTTGTCTCTATTATTATCTTTCTATTCGCTAGG
GCTCTCTATCATCTTCTACTTCTACGCCACGATCAGAATTGACTTCCTTTTTTTTTGTGACATTTGAATGTGGGT
GTTATTTATTGAAGATGGAGGGAGATAAAGATGCATATTACGTTGTACAGAAAGGGGACGTTTTTGGATTTTA
TAGGAGTGCGAAGGAGTTGGTGACTCAACATGGACGTTTTGATCCTAATGCAACGATCTACAAAGGGTATCA
CTTATCTAAAGAAGCAGAAGAATATCTCGTATCACACGGACTTCAGAGTGCCACCTACTCTATAAGTGCTGCCA
ATGTGACAAAGGATCTATTTGGAAAATACTTCTTGTCTTCTTATGAGCAACCATCTACTACTAGAGGAAAA
ATGGCTGAAGAATACCCCAAAGCTGAGAGACAAGAACGAGTCCTCAAGAATACTGAATATACCTATTTTCTTG
AGTTTGATGGTGCCTCAAAGGGAAATCCTGGGCTAGCAGGTGCTGGAGCTATTTTACGTGCTAACGATGGATC
TACGGTCTGTAGTTGCAAGAAGGGGTTGGGATTGCTACATGTAATGTTGCTGAATATCGTGCTATAATTTTA
GGACTGAAACATGCTTTAAGAACGGCATTAAACACATTTATGTCCAAGGAGAATCCAAGCTTGTTGTATGC
AAGTTCAGGGTCTATGGAAGCTCAAAAACCAAAATATGGCTGAATTATGTAAAGTGCCAAAGGAGCTTAAGG
ATAAGTTTGTGTCATTTGAGATCAGCCATGTCCTAGGAACCGAAATCCGATGCCGATGCTCTAGCGAACCG
CGCTATACATCTCCAAGATGGAGTCGTACTAGAAGACTGCATTCATAAATGAACTTCAAACATTTTCAAACGGT
AGGCAAGGATATTCTCTGCATTAAGCTGCATAGCAAAGCTGAACAGATTGACACCTTATTTTGTACCATTGAA
TGCTAAAGATACTTTGATCAACATTCTTATTTT

>trans_s_1452 GU197541|Phytolacca acinosa ARF-GAP protein (AGAP) mRNA, complete cds

AACAGGTTTTGTGTTACTCTCATACTCTCAACCATAACTTTTCCAAAAATCTCAGATATGATCCAATTTGTTTGAT
CTCGTATTCCTTCGCTTTAATCCCATTCTGATCCAATTTCTTTTGTCTTTTATTAGTTTCCTTGGTTGATTTTCA
ATCGATTGCGAATACCTGACATCCATTTTGGAGCACCATTTTCTTTTTGTTCTCTTACAGCTTGTTTGAATC
CCCCGCTTCTATTTCTCAGGCAATTTTAAGAAATTTTGTGTTGTAATCACTGATATTCAAAGGAAGAATGAGTC
ATTTTCCAGGGGATTTTAGGAGACCTGAATCAGCTAAAAGTAGATTGAAAGATTTATTGCTTCAGATAGATAA
TCAACTTTGTGCGGATTGTGGTGCCCCAGATCCCAATGGGCCTCTGCGAATATTGGCGTGTTTATATGCTTAA
AATGTAGTGGTGTGCATAGAAGCCTTGGAACACATATATCAAAGGTTTTGTCAATAACGTTGGATGAATGGTC
TGACGATGAGATTGATGCAATGATAGAGGTTGGAGGAAATGGTCTGCTAATGCAATATATGAGGCTTTTATC
CCTGATGGATATACAAAGCCTGGACCAAGTGCCAGCCATGAGGAGCGTTCAAATTTTATTGCGTCTAAGTATG
AACTTCAAGAATTTTAAACCAAGCTTGCGAATTGTATCCAATAACTCCTCAAAGAGTTCTGAGGAGCCAAGT
TATTTTCAAGAGATCACTGATAGCTTTGAAGCTCAAATTCTTCAAAGAAATCACCACAGGAAGGCATGGTTG
AATTTATGGGAGAAATGAAAGTCAAGGTGATTAAGGCACAACTTAGCCGTGAGGGATGTGAAGACCAGT
GACCCTTTGTACCTTAACCTTGGACAACAGACCGCTAAAACGACGGTGATAAAGAGCAACTTGAATCCAG

TTTGAATGAGGAACTCATGCTTTCGGTTCCTCTGGGATATGGACCCTTGAAGTTTGCAAGTTCGATCACGAC
ATGATTTTATTTAATGACTTGATGGGCGA

>trans_s_1453 AY542886|Glycine max DREBa transcription factor (DREBa) gene, complete cds

TGAAGTACGAGTTGTTAATTTAATTCAATGCGGTGGTTTGGGGCCTAGGGTTTCCCGTTCGTCCGCTTTGCCGT
CTTCAACGCGACCGTCTTCAGTCTCTGAATGGCACTTTAGAAACCGAATGTCCGTCTTTGTTCTACGTCGCAA
ATTTAGAACTTCTTCACTCCACAAAAAGAGGTTTTTTGTGGCCTATCCGATTTGTTCAATCCAATCGAAACAA
TTCTTGGATGCCTAAATTAGGAAAACTACAAACAAGACTGCCTGGTCTTTGTCTGTGGCTGACACTCTTGCAA
AATGGAAAGATTACAATGATCACCTTGATTATGTACCGATGAAGCAAACTTGCTCGTACAGTTCCAGCCAA
AGGATCGAAGAAAGGCTGCATGAAAGGTAAGGGAGGGCCAGAGAATATGCGATGTAATTACAGAGGAGTTA
GGCAAAGGACATGGAGGAAGAGGGTTGCAGAAATTCGAGCACCGAAAAGAGGAAGTCGGCTCTGGTTGGG
TACATTTCCAAGTGCATTGATGCTGCACTTGCTTATGATGAAGCTGCAAGGGCCATGTATGGCAATTTAGCTC
GCCTCAATTTTCCCAATGTCTCAATTCACCTTGCTAAAAGAAAAAGAATTATCAACAAAGGATTCTCCTGAT
GAAATCAAGAGGTCTTCACTCTCTTTTTTAGGTTCACTTCACTTAGTCTGAATTCTGAATCCACAATAACATC
AGATCACTCTGAGGATTGTGCAGTTGAAGATGTCTAGCGAGCTATATAACATTTGATAGCTAGCATAACCTTT
GATCACTGTAAAGTTTGTGAATTGGGGAATTGAGACCAGGGACCGATGTTTTTCAAAAATTAATGTAATTGC
TTTTCTGTGCAAGTATATCTGGAAATAGGGTTGATTGTAATATTATTTTCTTGTTTATCATAAGTACAAGTCA
GGGTTAGAAAAGATGAACTGAAGATGAAATTCAGTGAAGCTTTTCTAATTGAAACATTCTAGTGAGAGGTTA
GATGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1454 XM_002893447|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata U-box domain-containing protein,
mRNA

ATTGAAGGATGATGATGAAGCTCGAATTTTGATGGGAGCCAATGGCTTTGCTGAAGCACTTATGGACTTCCTA
ACTTTAGCTCTTATTGAAGAAAATAGTGATGCTCAGGAACTGGAGCCATGGCTCTCTTCAATCTTTCAGTCAA
CAACAACAGAAACAGGGAAATGATGATAGCGGCAGGCGTAATCTCATTGTTGGAGAACATGATTTTGAAATC
CAATTTACATGGACCTGCAACAGCTCTATATCTGAATCTTTCCTGCCTAGAAGATGCTAAACCAATCATTAGTTC
GAGTACAGCGGTTCTTTCTGATCCAGCTGCTTACTAGTAATGACGAATCCCAAACCAAGCTCGATGCATTC
ATACCTTTTATAACCTTTCTACCACACCTCCATCATTCTGTTCTTCTTTCTGATGGTATTGTTGGCGGACTTCA
ATCCTTCTCGCATCACCTAGTGACAGCATGTGGATAGAGACTTCCTTAGCTATCTTAATGAACCTTAGCTTCAA
GCAAGTTAGGGATAGAAGAAATAAATTCAGCCCCGAGCTTATAAGTGGATTAGCAGCCATCGTTGATGTTG
GGGAACGTGCTGAGCAGGAGCAAGCGGTATCATGCTTGTTGGTTTTGTGCAGAGGGAGTGAAAAATGCAGT
CAAGTGGTCTTACAGGAAGGAGTTATCCGGGATTGTTGCGATTACAGTAAACGGGACTTCGAGAGGGGAAA
GTAAAAGCACAAAACTTCTGATGTTGTTTAGAGAGCAGAGGCAAAAAGATACCGATATCACTCAACAGCGA
GATGGAAATAGTGACACAGCCATGGCTGCTCCAGATCCCAAGCCACTATGCAAATCAGTGTCGAAGAAAAAG
ATGGGGAAAGCGCTAAGCTTTTTTGCAGAGCAAACGATTTTCACTATACCAATGTTGAGCTCGTCATCCTTG
TAAATGTTTCTGTATCATATGTATATTTCTTTTTTGTCCACTGGTTTCTTATCCCTATCAAGTGTAACCA
CTCTTAGTTTGTCTTCTGTTAGTTTTTTTTCTTT

>trans_s_1455 EF543155|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D alpha (PLDa2) mRNA,
complete cds

TCCAAAGGAACTTTCTCTTAAGATTATGAGTAAGATTGAAGCAAGAGAAAGGTTACAGTGTACATTCTTGTTT
CAATGTGGCCTGAAGGATTTCTGAAGGGGGAACAGTTCAGGCAATATTAGATTGGCAAAGGAGAACAATG
GAAATGATGTATAAAGATATAGTTCTAGCTCTTAGAGCTAATGGGGTTGAAGAAGATCCTAGAACTATCTGA
CATTCTTTGTGTCGGGAATCGTGAAGTTAAAAAGCCTGGAGAATATGAACCATCAGAATCACCTGATGAAAA

TTCTGATTACCTTAGAGCCCAGCAATCTAGGCGCTTCATGATTTATGTTCATTCCAAGATGATGATTGTTGATG
ATGAATACATAATAGTGGGATCAGCCAACATCAACCAAAGATCAATGGATGGTGCAAGGGACTCAGAGATAG
CAATGGGAGGTTACCAACCATATCATTTGTCAGCTAGAGAGCCAGCAAGAGGCCAAATCCATGGCTTCCGTTT
GGCATTGTGGTATGAACATTTAGGATTGCTTCATCAATCCTTCTTCCCAGAAAAGTATTGAATGTGTTAAAA
CAGTAAACCAACTTGCTGATAAATATTGGGATCTATACTCGAGTGAGACCTTTGATCGTGACCTTCTGGCCAC
TTGCTTCGCTACCCCATCGCGGTCTCCGCTGACGGTCAAGTTACCGAGCTTCTGGGTTCCAGTTCTTCCCTGAT
ACTAAGGCGCGAGTTCTAGGTAACAAATCTAATTATATCCCTCCAATCCTCACTACTTGAAGGCAAAAGTACCC
CTTTTTTACTAACTGTTCTAAAGATGAAAAATGCTGGCTTTTCTGCTTTGTGATGGGAAGGCAAGAAGTCTTCA
TGTGTTTTTATGATAATGGTTTGTGTTATGAATGTGACTGAAGTTGCTTATAATAAAATGTTGGGTTATTTGTT
TGTATCATTTTGAATAATTTATACTCTTAGTGATTCAATAGTCATAAACTTAATGAAAAATAGAACCAAGTTAT
TAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1456 NM_123430|Arabidopsis thaliana SDH2-2; electron carrier/ succinate
dehydrogenase (SDH2-2) mRNA, complete cds

TGACGGATAGCGCAAAAGCTTGAGATTTCACACTTCCTTCTCCTTCCGATAGGTTTCTCTTTTTCTTGGAGG
CAACAATGGCCACCGGAATCCTGAGGCGGGTATTATCTAGGGTTTCTGCATCTTCACCTTCAAGGTTCTTCGA
ATTCGAGCTCACGTTCTGAAGCTGAAGCTCAGCAAGTCGAGCAAAAAGCGACCGCCTCGTCGAACCTAAAG
ACATTCGCAATCTACCGATGGAACCCCGATAGTCCTTCCAAACCAGAGCTTCAGGAGTACAAGATCGATCTCA
AAGAGTGCGGCCCAATGGTTCTTGATGCGCTTATCAAAATCAAGAACGAGATCGACCCGTCTCTTACCTCCG
CCGCTCGTGCCGTGAGGGGATCTGCGGTTCTGTGCGATGAACATCGACGGATGTAATGGGTTGGCTTGCTT
GACCAAGATTCCCTCTGGAGATTCTCCACGATTACGCCGTGCCTCATATGTTTGTGATCAAGGATTTAGTGG
TGGACATGACCAATTTCTATAACCAGTATAAGAGTATTGAGCCGTGGTTGAAGAGGAAAAGCGAACCGCCTG
TACCCGGGAAGGAGATTCTTCAGAGTAAGAAAGATAGAGCTAAGTTGGATGGAATGTATGAGTGCATATTGT
GTGCTTGCTGTAGTACATCATGCCCCAGCTATTGGTGGAACCCGGAGTCTTATCTTGGACCAGCCGCTTGCTC
CATGCCAATAGGTGGATAAGTGATAGCCGTGATGAATATACCAAGGAACGACTTGAGGCAATAAATGATGAA
TTCAAGCTCTATCGTTGTCTACTATTCTGAACTGTGCCGTGCCTGTCCAAAGGGTTTGAACCCTGGAAAACA
GATCCAGCATATCAAAAGTCTTCAGCTTCTGGGTTGAGCCTAAGTTTTTAGGTACAATGAGGCATAATAATGG
TCTTTTGATTAGTTATCGGTTACAGTTATCGGTTATATGTTGAGGACTAATGAACGGTGTGGGTTTGATTAA
TAATTTGTGGATCATTCACCTATCACCCATTCTGTACTT

>trans_s_1457 NM_001072049|Oryza sativa Japonica Group Os10g0580900 (Os10g0580900)
mRNA, complete cds

CTTTTCAACGTTTCCATCGTGCGACGTTGAAACGACGTCGTAAAAGGACCGTTTTTGAACAATTATCGGCAAA
TTTATTGGGGGTGGTTAGCCGAAGGCAGCCAGCCATTGTAGAGTAGCGAAAAATACGAACCTTGTGTTTGTG
GCCACCACACGTCTGAACCTGCTCCTTCTCTTCTTGGCTGAGATTTCCGGCTTCAATCACTCGCCTAGATTC
ACTTTCTTCGAAAACTCTTGTTAAGTAGCAGGAATGGACTTTATATTAAGAGGAATGAATGATGAGGCATCT
GGTTGCTACTCTAATGAAATGGACATTCAGAGATGCCCTTCTCAGGAATATCAATAAGCCAACCTGCTTTTC
CTTCTCCACCTTGACTTCAACTTCCCGGTTTCGAGGAGAAAAAGGGCCAATTTTTGAGGATGGTCCTAATTTTG
ATACAGCATTTAAGCTTTTTCATGGTAAAGATGGAGTTGTTCCACTATCTGAGAGATCTGGCTTTGATAAAATA
TCATTAGAACCGGAGATGGCTTCTATTCAACCCCTTGGCAGCAAAAGCTGCAACCATCAGTCTGTCAGCTTT
TGGACCAGGAGGGCCATTAGCTTCGGTAGCTTCTCTGAGAAATGGAAGAAACAAAAGTCTGAGGCATCCAA
CAAGAAAAATAATTCGTCACAGAAAAAAGGAAATTCATCCAAGCACGAGGCTCTTGAAATGAGTGGTTGGA
AACAGGAAACTGTCCAATTGCCAAGTCTTTTAGAGCTGTGAGCGGAGTCCTCCACTTGTTGCAACAGCTTTTC
AGCTACCACCTGGTATGAAGCTTAAGTGTCCACCAGCTATAGTTGCTGCGCGTGCTGCCCTTGCTCGTACGGC

ATTTGTAAAAATCTGCGTCCTCAGCCACTTCCTTCGAAAATGCTCGTCATTGCGGCCTTAGGCATGGCGGCAA
ATGTTCCACTTGGGATATGGAGGGACACACTCAGAAGTTTTCATTTTCATGGTTTGTGGCCATTCATGCAGCTG
TGCCCTTTATTGCCATGCTTCCGAAATCTGTCTT

>trans_s_1458 AL161471|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 1

TAGAAGAAGTGATCATCGGTGGGTGCGTTAAATTGATTTTTGGATGTATTTTGATCGCTCCTACTCGATTGTAT
TGGAGTTATGTTCACTTTTGCTATTCCAAATTCATTGTAGAGAAGTAAAAGTATGTAGAAGTGGACTTCGTCTT
CTAAATCTTAGCTGTATGAAGTGATTGGTTGGTTCCATTAATTCTTACGCGGCTTCATCTTCTTCTTCTTCTT
CTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCAACTTTCATTCTCTCCCAATGGAGTTTCTGAATCCAATTCTCTTGTCTCA
TACTTTTTTCATCAACCATTCCAATTCTTCTTCTTCTCAATTCTCTCCATCGATCACTACCTCATCGATTGTGGG
TCAACCCTTAAGTCCACCGTCGATCATCGCATCTTCTCTCCGATTCTCCTCTTCAAGTTCATTTTTCTCTCTTC
CCCCGCTCTTCTCTCTCAAAAATCAACACCCATTTCAAGGTTTGGCCCCAATTTACAATTCAGCTCGCGTTTTC
GAGATGCCATCCAAGTACGAGTTGCAGATCAATGACAAAGGCACACATATGGTACGTCTCCATTTCCAAGCTT
TTACCTCTTCAAATTTGGATCTCATTCGTGCTCAATTCACGTTTTGGTTAATGGGTATGTGGTTTTGAGTAATT
TLAGTGGTGTCTCTGCTGTAAACCCTAGAATTAAGGAGTTTCTTATCTGGGTTGGAAACGAAACTCTTGAAATT
ACCTTCGTCCCTGTTAAGAAATCGAAATTCGCGTTTGGTAATGCGATTGAAGTTATTTCTGCACCTAAAGATCT
TGTTGCTGATTCTGCTAAATATTTGAGTTATGAACATAGTGGAATGTTGATGGGTTGTCCAAGGAAGGGCGT
GAAGTGTGTATAGAGTCAATGTTGGGGGGCCTAAGGTTACTCCCTCAATGATTCTTTTTGGAGGACTTGGG
TTCCTGATGATGAACACTTTGAATCAAATGATGGATCAAAGAAAGTATATTCTAGTGGAAGAATTAAGTATCA
AGAAGGTGGGGCAAGT

>trans_s_1459 NM_127383|Arabidopsis thaliana ATCOAD (4-phosphopantetheine
adenylyltransferase); nucleotidyltransferase/ pantetheine-phosphate adenylyltransferase (ATCOAD)
mRNA, complete cds

ATGCTCCGCCGCCGCCATTTTTCTTTCTTTCTCTCACTGCTTCATCTTCTGTGGGGTATTTGTAGTTTTCTC
CCATTCTTCTCTCAGCAAGGAACCAACAGCTCGCTCTTCTTCTTCTCCCACTTCTTAACCTACAGTCATATATA
ACTTGTGCTGTTTGCTCTATGCTCTGGACCTAGACGCGCTTTGACGGGGACCAGCCAGTTGAAAATCGATTCCC
AGTAGTCCCTAGAAATGGCTATCTCGGAGGATTCCACAATCAATTACAAAATCTCTCCTCAAATTCATATGGA
TCTGTGGTTCTTGGTGGTACTTTTGACCGATTACATGACGGTCACCGTCTTTTTCTCAAGGCTGCAGCAGAGCT
CGCAAGGGATTGGATTTGGATCGGAGTTTGTGATGGTCCTATGCTAAACAAAAAAGTTCCCGGAACCTTATA
CAACCCATTGAGGAAAGAATGCAAAATGTCGTAAATTATATCAAGTCTGTGAAGCCCACGCTGTTGGTAAGCG
TTGAACCTATCGTTGATCCATATGGTCCATCCATTGTGCAAGAAGGTTTGAAGCAATTGTTGTCAGCAAAGA
GACGTTACCTGGTGAATATCGGTTAACAAGAAGCGATCCGAAAATGGCCTCTCGCAACTGAAGATTGAAGT
TGTAGATTTAGTTACTGAGGAGTCTGGGGATGAGAACTGAGTTCATCAATACTAAGAAAGCTCGAGGCAGA
GAAGGCTGCCTCTGCCTTACAACAACAGACAGAATAGAAACACAAAACCAAATATTATTACTCATGAAGCCAA
CATTACATTATCTTGTCTTCTGAGTATTTATCAAACCTATACACATTATCAATTAATCTTTAATATCAATGTCGAA
TCTCTAATTTATAGATATCTCGATATATTGACAGGGAAAAAACAACAAAAAATAAAAA
AAAAACAAAAAATAAAAAAACAATAATCCCAACAAAAAATAAAAAAATAAAAAAAGGGCCCCC
CCGCCCCCTAAAACTTTTCAATCCCCCAC

>trans_s_1460 BT002725|Arabidopsis thaliana At4g29790/F27B13_30 gene, complete cds

TGAGGAAGTTGCGATGGACCAACTTGTTGAGATGGCTTACAATAAGAAAATGGGGTATCGTGGCAGTACTGG
CTCTAAAGTACAGTTCGCAGGGTCTCAAATCAGCTGCCCCGTCTTAATGCAGCGCACTCTTGCTAGATGTC
ACAAATTTGAAGATACCGGGATTAGTTGTTTCAATGAACCTGCATTGCAGGATATTATTTCTCTACACCTCCAC

CGAAAAGGGATGCAAAAACAGTTGACTTTGGTGACTGTACAACTGCTACTAATGCATTCTACGAGTCTTCCCG
TCAGATGGACGATAGGAGACTGGGTGCTGTCTCGGGCCCATCCGAGAGATATGACTCACAGAGTGATACT
GGATAAAGGTTCTTCAAATGCTCAAGCCATTAATTCTTCTGAGCTAGTCTCGGTGCGTGATCCATGATGATTA
AGCAGAAGAAGAGGGAAATGCGCATTGACGAAGTTGCTGGAAGTGCTTCTCCAGACTCACCCAGGCACGA
AAGGCAAGAGAAGCGACAGAGAAAGGGACCCAAACAAAACCATCCTCTTTCCAATTCTTTGGCCCATCATT
AGATGGCTGCCAAGGTGTCCGAAGATCGAGGCCAAAGCCCCGGCAGAAAGGTAGTTGTTTGTCTGCTTCAGG
AGCCAGATCTGAGATCCAACCTTCAGAAGTCCCAGAGTCGTTTACTTCTCAATCTTCTAAAATGGGAGCAAAAT
TCAGCGACAGAACAAGAGGTATCGACCCGGTATTGCCTGCTAACTTTCTGGTAGGGTCGTCTAAAGATGCTGA
CGAGTCAACTGGTTTGAGGAACCTGCAACTGCATGATTTAGATGCTATGGAAGATCTAGATGTGTGCGAAAGAC
CTTGGTGATCATCAAGACCTTGGTTCTTGGTTGGATATTGATGAAGATGGGTTACAAGACCATGATGCTATCG
GTCTCGAAATTCCAATGGATGATCTTCCGAGTTGAATATGATGGTTTAGACTGTAGCATTTATATACCCCCAT
ATTTAGGGTTATTACTGTACCATTGGCCCCAAGTTATT

>trans_s_1461 AB055116|Cucurbita maxima Puga mRNA for glutathione S-transferase, complete
cds

TCTATGCTTTTGTTCCTTTTGTCTTCCGCACTTATTCATTTACCTTCTCCTCTCTCTTAAAGCTCAAATCTT
CGTTTTCTCAATTTCTATCCATTTGAGTAACAATGGGAGAGGAAGTGAAGCTATTAGATTTCTGGCCCAGCAT
GTTTGGGATGAGAGTTAAAATAGCTCTGGCAGAGAAGGGTGTGGCGTATGAGTATGTGGAACAAGACCTCA
GAAATAAGAGCCCTTTGCTTCTACAAATGAACCCAATTCACAAGCAGATCCCAGTTCTTATTACATAATGGAAAA
CCCATTTGTGAATCTTCCATTATTGTTGAGTATATTGATGAATTTTGAAGGATAAAGCTCCTCTGTTGCCGGC
CGATCCTTATGAAAGAGCTCAGGCCAGATTTTGGGTGGATTTCATCGACAAGAACATTTATGAAAGCGCGAAG
AAGATATACACGAAAAAGGGAGAGGAGCAGGAGGGAGGGAAGAAGGAGGTTATAGAAATACTGAAGCAAC
TGGAACAAGTTCTAGGGGAAAAAGGCTATTTTGGAGGTGAATGTTTGGATATTTAGACATTGGTTTGATTGG
ATTCTCTTCATGGTTTTATGCATATGAGACAATTGGGAACCTCAGCATTGAGGCTGAGTGTCCGAAGTTAATAA
GTTGGGTGAAAAGATGTTTGGAAAAGGAGAGTGTTTCTAATTCTCTGCCTGATCCAAAAAAGGTTTGTGAGT
CTTTGCTTCAATTTAAGAAAAGGTTTGACTAAACAAAACCTGCATCCTATCCTTTCACCGCTGGAGATGCTTCTAC
GGTCTTCGTGGTTTTTGGTGAGTTTTTCTCTACTTGTGAGAAGGCTTATTTGTTGGACTTTTCCTGTTTTTGG
ATGCTCCTCTCTTTTAAGAAGAATTCTTCTCTTCTAGGTTGTCGGAATGATGCTTTTCAAACAAATAA
ATAAACAGTTCATTTAATTTGCAATGTTGTTGTTATTATTACTATCATTCAATAAATGTCATGTGCCCTTTC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1462 XM_002323704|Populus trichocarpa histone acetyltransferase (HAF901), mRNA

AAGATTTGATAAAAGGGCTCTAGAAAAAGAACGTAGCATGAAAAGGAAGCCTATCGAGTTGGGAAGACATAT
TCCAGAGCATGCATCAACAAAACGCCGTAGGGGGGGAGAGGTTGGTCTGTCAAATATCTTGAGCGGATTGT
GGAGACCCTCAAAGATAGGTTGATATTTCTATCTATTCTTAAACCTGTATCCAAGAAGGAGGCTCCAGACT
ACCTGGATATCATAGAGCGCCCAATGGATCTTTCTACCATTAGAGAAAAGGTTAGAAGGCTGGAATACAAGA
CCAGGGACGAGTTCAGGAATGATGTATGGCAGATAAAGTATAATGCTCACTTGTACAATGATGGGCGCAACC
CAGGTATTCTCCCCTAGCAGATCAGCTTTTGATGCTTTGTGACAATCTATTAACAATGTGATGAAAACCTTG
ACTGAAGCAGAAATTGGAATCGAGTATAGGGATAATTAGGGGTGGAGTACATATCGTATTGTGCCGTTCTGT
AGTATATACTTATAATGTAGTGTAGTGAGGTGGAATCCTCATTTTCATGGCAGATAGTTAACAATATTCCATT
CCATTCCATTCCATTAGAGGTCTAGGATGTTCAAGTGGCCATTTGTTGGGGAGAGTTAAAGGGTATGAAGGAA
AGGCTTAGAACACAACCATATGCTCATTAGAATGTTTCGCCGAAAAGATGAAAATAGATTGATTTGGGGGTTA
GAACTCGTTGATAGAGGACCAACCTTCCTTAATGTACTGTAGCCATGTATATAAAACCCGAGTTGAAAATGTTT
TTGGGTTTAATAGAAATGTATTTTATTGTTCCCATCTGTAACCTATAGTGATGTATTTATTAACCCAGTTGAATC

TTTTTTTTTTTCCACCTTTATTCTACCGGCATGTTTTAGTAATTGACTACGGAAGCAGGAAAAGGAAACAGG
GAAAATGTTTTTTTTCTTTATTTTTATCTTTTTGGGTGCTAACTAACCTCATTTACACATTTTTATTAGTGTTCG
TNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1463 AB232685|Panax ginseng mRNA for ribosomal protein S4, complete cds

CGGCGGCCGCGATCTTCTCTCATCTGCTCCGTGGAACATCCCGTTTCGACAACATGGCGAGGGGATTGAAGA
AACACTTGAAGAGGCTGAATGCTCCGAAGCATTGGATGCTCGACAACTCGGTGGTGCATTTGCCCCAAACC
TTCATCAGGACCTCACAAATCAAGAGAATGTCTCCATTAATCCTCATATTGCGAAACCGATTGAAATATGCTC
TCACATACCGTGAGGTTATTGCAATTTTGATGCAACGCCATGTTTTAGTTGATGCCAAGGTCAGGACTGATAA
GACCTATCCAGCTGGTTTCATGGATGTTGTGTCCATTCCCAAAACAAGCGAGAATTTCCGGCTTCTCTACGACA
CAAAAGGTCGTTCCGTCTTCACTCAATCAGGGATGAAGAGGCTAAGTTCAAGCTTTGTAAGGTACGCTCAGT
GCAGTTTGGGCAGAAAGGGAATACCTTATCTGAACACTTACGATGGGCGTACAATCCGTTACCCTGATCCTCTA
ATCAAGGCAAACGACACCATCAAGTTGGACCTTGAGTCAAACAAATTGCTGATTTCTTAAGTTTCGACGTAG
GAAATGTTGTGATGGTGAAGTGAAGAAACAGAGGGCGAGTGGGAGTAATTAAGAACAGAGAGAAGCA
CAAGGGAAGCTTTGAGACAATTCACATTCAGGATGCAACTGGGCATGAATTTGCCACTCGGCTTGCAATGTG
TTTACAATCGGGAAGGGGACAAAGCCATGGGTGTCCCTCCCTAAGGGCAAGGGTATCAAATAACCATCATT
GAAGAAGCCAGGAAGAGGCTTGCTAGCCAAGCAGCAGTTACCGCTAAGAGTTCCGAGTTATTACTAAATTG
TAGTCTCGAGTTTTTTAATCATTTTTGGTAGACACATACCTTTCTCGAATTTGCTCTCCTATTATGGCTAAGTTG
TATTTTGAGACAATTTATTTCTACCAGAATTATCGGTGAGGTCGTTGCTTCTTTGATTTTGTTTTAAAAAACT
TTTGGCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1464 NM_104029|Arabidopsis thaliana Y14; RNA binding / protein binding (Y14) mRNA,
complete cds

TTGGGTTAGCGGGCAACAAGAAACCCTTGTTTCGATCCCCAAAACCCCCCACCCTTTCTCCCATCTTCTTT
CTTCTTCTTCCCTTCCCCATTTTTGAAGAACCAACCAGCACCTCTGACCAACATTTGCTTACCCATGGCCAGCGC
TGATGTAGAGGCTGTCGACTTTGAACCTGAGGAAGATGACCTCATGGACGAGGATGGAGCCGCCGAAGCCG
ATGCCTCCCCACGAGCTCCATTTCTAAGCTCAAATCCGCCATTACCGCGGCGCATCTTCTCGCTTTCTGGTG
GTCCAAAGAAGACTAAGGGTCGTGGATTCGAGAGGAGTCTGATCGAAACACCCGCCTTGCTGGGTGCGACT
TCGATTCCTCAAGTCTGCCGATGGCCCTGGCCCCAACGATCTATTGAAGGATGGATCATTCTGGTAACTGGT
GTACATGAAGAGGCACAAGAGGATGATCTACAAATGCATTTGGTGAGTTTGGGAGATAAAGAATTTGCAT
CTAAATCTCGATCGTCGTAAGGTTTGTCAAGGGATATGCGTTAATCGAATACGAGAGTTTTGAGGAAGCAG
AGAAAGCAATATCTGCCATGGATGGTGCTGAACTTCTGACCCAAATTATCAATGTTGATTGGGCATTACGCCA
TGGACCCATCAGAAGGAAGAACGCAAGGCCTGCTCGAGAACGACGTTTCGAGGAGCCCTAGGAGAAGATACT
GATCTTGAGGTGTAGAACTCGATGTGTGGTGTGTTTGGATTTAATTGGAAAGGTGTTTTCTTGTTGGATTGG
ATTAGGAGAAATGTTTCTACTGAGCTCCTACTCAATTATCTCAAGATTCCCCTGGTTTCCAGCCTTTGTTTCTCG
ATCGTTGATGTGAATTGATGAATTGTATGTAAGTATGAGGATTTGAGGTCCATGATTTCTTTTTCTTTCTTT
TTTTTTTTGGATTAATTGAGGTCTTTCCATTTGTGTTGAATATCTGCTATTATATATATATTTTTGTTTTAAG
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1465 AF346906|Momordica charantia phospholipid hydroperoxide glutathione
peroxidase (PHGPX) mRNA, complete cds

ATTATTACCAATCTAATCTATAGATGGAAGGAAATTGAAATGCTTTGACAAAACCGTGTATCGAACAACGGC
GTAGAGGTTGCGTTGAAAATTTGAACGTTGAAATCTCTTCAAGAAAATGCAGATTTTAAATTCTTAAATTGGA
TCTCCTTCTTCTCTCTGTTTCTCTCTTTTATTACTACCGCACTGCCCAAATCTCTCCCTATTTCTTCTCAATA

TGGCTCAAGATTCTCCAACCTCCGTTTTTGATTTCACTGTCAAGGATATTCGTGGGAATGATGTGAGCCTTAGT
CAATACAAGGGGAAAGTTCTTCTGATAGTGAATGTCGCTTCTGAGTGTGGTTAACGAAATCAAACCTACAAGG
AGCTGAATGTATTGTATGACAAATACAAAATCAAGGTTTTGAGATATTGGCATTTCCTTGCAATCAGTTTGCA
GGACAAGAGCCAGGAAACAATGAACAGATTGAGGAACTGTATGCACAAGGTTCAAAGCTGAATTCCTCATC
TTTGATAAGGTTGACGTTAACGGGAAGGATGCAGCACCAATATATAAATTCCTGAAATCACAAGAGGCTGGC
CGTGGACTATTTGGCGATGCCATCAAGTGGAACCTCACAAAGTTCTTAGTGAACAAAGAAGGGAAGGTAGTT
GGTAGATATGCTCCTACCACCTCGCCTTTCAAGATTGAGAAAGACATCGAGAATCTATTGCAATCTGCTTGAAA
ACAAGGTCAGGAACCATACACAATGAACTCCAAAAGTGCTTATTTACATGGCTTGTTAGTTATGGGATTGCGC
TTATAAATGTTTGTATGAACATGATTATATTTTCTCTGAACCTTGACATATATATACAGTGTTACGTGGTGAAA
TTTGAATTTTATTTAAGAGGTCTTCATTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCC
CCCCCAAAAAATTTATCAATACCCCCAACCCA

>trans_s_1466 NM_113545|Arabidopsis thaliana glycosyl hydrolase family protein 27 / alpha-
galactosidase family protein / melibiase family protein (AT3G26380) mRNA, complete cds

TATGGAGTTTCTTAAAATTGCTTCAACAAATTTAGAAAAGCGAATTGTGAAATGGCATTCCAGAGGTTTGGAG
GCATCAGCTTCACCTATATTGGGTCTACCAAATGTGCATATTCAGACACGACTGGTTGGATTACTAAAAGTGT
CGATCAAGGTCTTGAAAAATATGTTGGAAGGCAAATCCTGAACATGAATATCAAACACCTTTTTGTCTATATA
AACGAGGATCCCGAGTTGCAATAGATAAAGAGGCAGCTACTACCGCGATCAAGTGGAACCTTCTATCATTTTC
AACTAGCTCGGTGGAGGTTTGCCTGGATGCCACTCCCCAAAAGAAAGCATAGTTCTGAAGCGATCATGAGGGG
GTCATTTTTCCCCTGTAAAAGGCATGAGAATCAGAAGTGGGATTTATACGCTAATGGGACGTTGGCAAACCAT
AATTCAGGGCATTGTGCAATTGTGAAGTATAAACAAGCCAAAGCTATTCCAACCGGAGTTCGCTCTTGGGTTG
CAACAGGAAGGGGAGGTGAGGTATATGTTGCTTTCTTCAATCTGAACAATGTGAAGACCGTTATATCTGCGAA
GATTTTCAGACCTTGCCAGGCACTCCCAGGCAAGAAATTGGGTCCGAATTCTTGAAATACAGAGAAGAATGG
TCTGGAAAAGACTTTGGACTAGTCTCAGATTTAATTGCTGCACCGGTTGAAAGCCATGGGTCTGCACTATTTAT
CATCAATTGTAGCTAGTCTAACTGCGTTATGAAAGCAGTTAATCGCTCTGGAATGTGCTTACATTCTCTTATCAA
GTATCGATACATATGGCGGGAAAATAATAGGTGAATAACAGAGTTTCGTAAGTGTATCAGTCAAAATCT
TCTTTGAAGCAAATTCCTGGGGCTCTCATAAATCTGTACTTCGTACTTTTTGACATCAATCCAAGTTCTCTTCTCT
CTATGTAAACTTCAATGGATGCTTAAACAATATGGGAAATGAAGTTTTTAAGTTAGACAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1467 NM_113832|Arabidopsis thaliana pectinesterase family protein (PME31) mRNA,
complete cds

ACACTTTACTCTTTTCTCCTTTCTTCTCTACCAAACCTACGAAGTTTTCTCTCAACATTTCTCCCTTTCTTGCTT
TCTCAATCTCATCACTTTCTCCCTCTCTTCTCTGATCAGTCACCAACGCGTGTGAACTCGTCGCCGTGCTATCAT
CGGAGGCAGCTTCTCCGTTGTGCGATCGCGCTCGTGCCTCATTTAGAAGGAAAAAAGGGGATGCATGTGAAT
ACGTCTTCTTTTCGTCAAAGCAAATACCCAACAATTCCTCTTTTAACCGCTTGCCATGCTTAGCTTGCTTCCTGCA
TTTGGCAGCTCAAATCCATGGAAGAACTAAGGATACTCTGTACCTACATTATGGAAGACAGTATTTGAAGGA
TTGTTACATCGAAGGAAGTGTGGACTTCATATTTGGCAACAGCACTGCTTTGTTGGAGCATTGTCATGTCCACT
GCAAGTCGAAAGGCTTTATTACTGCACAGAGCAGAAAATCTTCTCAAGAGACGACAGGTTACGTGTTCTTGAG
GTGTGTGATCACAGGCAGTGGCGAGACTTCTTACGTTTCATCTCGGGCGACCATGGGGACCATTTGCAAGGGT
GGTATTTGCTTACACACACATGGATGTATGTATCAAACCAACAGGCTGGGACAACCTGGGGGAAAGCTGAAAA
CGAGAGAACTGCTTGCTTCTACGAGTACAAGTGTTCGGGCCAGGGAGTTGCTCAATGAAAAGGGTGTGTTG
GGCAAGAGAATTATTGGATGAAGAAGCTGACGAGTTCATTCTGCATCGATTTATCGATCCCGACGTGGATAG

GCCTTGGCTATGCCAGAGGATGGCACTGAGGATTCCTTTTTCTGCTTAAGAATATGGGATCATTTTAAAGCTTT
CAAAACAGAAATCAGCAAAACCGTCAAGGTTTGAAAGTTAATTCACCAGTTGAAAAGTAGCTCATGTATTCAC
GACTTTTTATACACTATTTTCTCTCTCTCTCTATCTATATATCTATTAGCTCATGTGTTACATGAAATTTCA
TACCATCAATTTTGTATAAATTTGTA

>trans_s_1468 XM_002515518|Ricinus communis palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase,
mRNA

CATGCGACGAGATTGGCTTGTTTCGTGATTGCAAACTGGTGAACTCTCACTAGGGCCTCAAGTGTCTGGGTG
ATGATGAATAAGCAGACAAGAAAATTATCAAAGATTCCTGGTGAAGTTAGAGGTGAAATAGAACCTTACTTTG
CAGATTCACCTCCCATTGTAGAAGAAGATGGTAGAAAACTCCCAAACTTGACGATGATAGTGCTGATTACAT
TCGTACAGGTTTAAACCTAAATGGAGTGATTTAGATATCAACCAGCACGTAAACAACGTCAAGTACATTGGC
TGGATACTTGAGAGCGCGCCATTACCAATCCTGGAGAGTCATGAACTCTCTACTATGACTTTAGAATACAGGA
GGGAATGTGGAAGGGACAGTGTGCTTCAATCTCTTACTGCTGTATCTGGTGTGATCACCAATTTAGCGGA
TGCCGGCGACATCGAGTGCCAGCACCTGCTTCGACTTGATAACGGAGCCGAGATTGTTAGAGGAAGAACTGA
ATGGAGGCCCAAACATGCAACAACTTCGGAATGCTGGATCAGATTCCAGCCGAAATACTTAAAAGGCCAAAA
TAAAAGAGGAAAGAAAAAGAACATCAATTCAAGAAGCTATCTCGTAGCTGGAGTCTTAATTGGCCACCCTTG
TGCATTCATTGCTTGTTATAGAGTCTGCTGCTGTTTCTTCTCCGATTTGAAAAAATCCCATATATTTAATTA
TATGATCTTTATATATATATGTATATGTATATTTTTTTTTTCCAGTCCTTCCCTAAACCATCTGTTTTCTTG
GGGA
AAAAAAGAGGAAAGAAAAAGAACATGACAGTTCCTTGTAAATTAGTCAATTCTTTATTGTCCGCTCTCACCCAT
TGTCTCAACGGGAAGGTAAAAATATAGATAACACCTCTAATGTTTCGGTCTTTAGGTTAAACGCTCTGGCTG
ACTGTTCTGGGTTTTTCATTATTTGTCGATTTCTTTCATTCAATTAGAGTTGAAAATGTGTAATTTTTTTTCGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1469 AY057731|Arabidopsis thaliana AT5g10780/T30N20_50 mRNA, complete cds

CCGGACCATAAGCCTTCAAAGGATCTGAATCTAAGCGTCTAAGTGAATCAACTCCGAACTCCACCATTGGAA
AATCAGAAAACCCGTAATCTGAATGGAAAAGGGCAAGGGTTTGATGGTGGACGGCCGGCGATGGGCCGTGCG
ATTTCTCCGACAATTCTTCGTCGAATTCAACTCGCGATATTCCTGATCCTCCTGGTTTTACTCGTGCTTCCCAAG
ATCAAGACGATTCCACTCTCAGCCGCCAGAAGAAGGATGCCGAATCCAATTGGAAGGCTCAGAAAGCTTGGG
AAGTGGCCCAGGCGCCGTTGAAGAATTTGTTTCATGATGGGATTCATGATGTGGATGGCTGGAAGCACTGTTC
ATTTATTTAGCATTGGTATCACATTTTCAGCTCTTGGCAGCCATAAGCGCCCTGCAAGGCGTTGGAAAGGTT
TTTGAGCCTTACAAGGACAGTAAAGTAGATCTTCTTGACCTAAGTTGCTATTTATTGCCCTCAACCTCGGAGG
TTTAGCATTAGGTGTTTGAAGCTTAACACTTTGGGGCTTCTGCCAACACATGTATCAGACTGGGTTTCGTCTC
TACCACCTGCTCAGGAGGTTGAATTTCCGGTGGTGGGATTTCTCTTCGCTAAGATGCACAACACCATTTTGTG
TACTAACGACAGGGAAACCAACAGAGAATCATTGAGCCACTTGTTTCATGATCGAACTTCATGGATGGATGGAT
GGATTGCTCGTGTTGTGTCATGAACGTGATTATAAGTCTTTATATTACGCCTGCATGGATTGTGCTTGATCAAGA
ACAATGTTAGAGATGTGCTGAGGGCACAGCTATTGTTTATGGTACTCATTTTTCTTTAAAATTAGATCCTGCT
AGTAAAAATTATTACTGACTGGTAAAACCATCCCATAGTATGCTAATTCCTTGCTCTGTATGCCCAAGAACAAA
ATGCTTTACATGGAATATGGTTTAACATTTTTTTCTCTCTTTGCATTATTTTGAACAAATAAATCCTTGGAAA
GTGATTGTAGACGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1470 AB506766|Carica papaya hsf mRNA for heat stress transcription factor, complete
cds

CATCTCTCTTCGTTACTCTAATACATACATATTATATATATCGTCTCTTCTTCTTTCTTTTCTATTATCTTTCTT
ATAATCCATGGCACAAAGATCGCTCCCCGCTCCGTTTCTACCAAGACCTATCAGCTGGTGGATGATCCTGCCA

CCGACGACGTCGTTTCATGGAATCAATCTGGCTCTACCTTCATCGTATGGAAAACCGCTGATTTGCCAGAGAT
TTGCTTCCCAATTACTTCAAACATAATAATTTCTCTAGCTTCGTCCGTCAGCTTAATACATACGGTTTTCGCAAG
ATCGTACCGGACAAATGGGAATTCGCCAACGACAATTTCAACGGGGCCACAGAGAGCTCCTCTCCAAAATCC
GCCGCCGGAAGGCCGTCTTGATATCGACACCCATGCAAACCTGTTTCATCCCGTTAAATCCGGCGGCGGTGGCG
GCAACCCTTCTCCCTCCAACCTCCGGGGAGGACATCGGATCCACTTCCACCTCCAATCCGGGATCGGTGGAGAT
GGGAACCATCGCACAATTCGCCGATCTGACTGAGGAGAACGACAAATTAAGGAAAGATAACGAGATGTTGAA
CTCGGAGCTTGTTTCAGACGAAGAAACAGTGTGACGAGCTGGTAGCTTTCTGACGGACTACTTGAAGGTAGC
GCCGGATCAGATCAACCGGATCATGAAACAAGAAGCGAACAATCGCGTTGCCAGTCAATGTAGCGAGGGAG
GCGCTGATAACGGTAGGATCGAGGAGGAGGAAGAAGAGGAGGAGGAAGAAGAAGAAGCAGAAGAAGAAG
AGGGCGAAACTCTGAAACTGTTTGGGGTTTGGTTGAAAGGGAAAAAGGAAAAGAAGATGAAAAGGGGACG
AGAGGAGAAAATGGGGTGCAGCAACGGTCCACATGCGAAAGCAATGAAGTCGTTGAGATGCACGCGCCGT
TGATGAGGAGCAACTGAGGACCGAACGCGTGGAAACCAAATCCCAATATTGGGAATTATGAAACGACGGCGT
TGCATGGAAGTAAAGTTAAATAATAATATAACATAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1471 BT025237|Arabidopsis thaliana At5g08160 mRNA, complete cds

ACACAACCTCACGGTTCTCATGAATTCAGGAGTTTCAGATCTCACTTCGGGAATCTGATTTTGACATTTCTCAGA
TTCAAAGGGCGGGATTTCAATCCGCGGTGAGATCTGTATGTATTAGATTGAACAAGAAATGGGTTCACAT
TTTCTGGATTGAATGCTTTCTACGATGCTGTGAATAGCGGTGGTGATGTGTGGATCAATGAGAACAGATTCAG
GATCGTTAGGCAGCTCGGTGAAGGTGGCTTTGCTTATGTCTTCTTGTAAAGGAAGTGCTCGCTGATACATCTT
CAGATGCTGTTCAAAGTGGTTTGCGCAAGAAATTCAAGGACTCTACTCATCTTTCTGATGATGGTTCCTATGCA
TTGAAAAAGGTGCTCATTGAGAATAATGAACAACCTGGAATTGGTGAAAGAGGAGATTCTGTGTTTCATCCCTGT
TTAGTCATCCCAATCTACTTCTCTTCTTGATCATGCTATAATAGCTACTAAGCCTACCCAAGAACGATCTTGGA
ACCATGAAGCATACCTACTATTTCCAGTACATTTGGATGGAACGTTATTGGACAATGCAAAAACCATGAAAGG
AAAAAAGGAGTTCTTCTCAACATCTGATGTTTTGCAAATATTTGACAGCTATGTGCGGGTCTCAAGCACATGC
ACAATTTTGATCCACCATATGCACACAATGACATAAAGCCTGGTAATGTTCTCATAACTCGTAGAAAGGGCCA
GCCTCTCTTGCTATATTGATGGATTTTGGAAGTGCCCGACCTGCAAGGAGACAAATTAGCTCTCGTTCAGAA
GCATTGCAGCTACAGGAATGGGCATCTGAACATTGTTCTGCTCCTTTCCGGGCTCCTGAGTTGTGGGATTGTG
CAAGCCATTGCGATGTCGACGAAAGAACTGATATTTGGTCTTTAGGATGCACGTTGTATGCAATAATGTATGG
GGTATCTCCATTTGAATATGTGCTTGGCGAATCTGGAGGAAGCTTACAGTTAGCAATCGTAAATGTACAGATC
AAGTGGCCGGCTGTACCAACTCCTCCATATCC

>trans_s_1472 BT025874|Arabidopsis thaliana At2g33820 mRNA, complete cds

AAAGAGGGAAGAAGAAGGTAATGGATCCAGGCGAATACGCAGCGGCTGCGGCTGCGGCTATAAAATGATCC
TCAATCACCATTCCCCAAATGACACACCATTGATGCTCTCGCAACTTGAGCCACATATTATCGAGTTTCTCCT
GTGGGTTCCAATGGAGACTCGATGATACTCCTTGTTTTCCATTGATACCCTTTACCCAGATACACCAATGGGGG
ACACTTCCAGTTACAAAGATTACGTCGCCGGTCTGATTGCCGGCGTTGCCACTGTCGTTACCGGCCACCCTTTT
GACACCGTTAAGGTAAAGCTTCAAAGCATAATACCGAGTCACGGGGGATTACATATCGTGTTGGTCTGCATT
GCACTGCTAGGATACTGAAGACTGATGGGGTGAGAGGACTTTACCGAGGGGCAACATCATCTTTCATTGGAG
TGCTTTTGAGAGTTCCCTTCTTTTCGGAATATATCCCGGACTAAACATTCATTGCAGGGAAGCGACCAAAAT
GGTAGGCAAGGCCACAAGTAGTAATTCCTTCGGCAGCTTATGGTGGAGCTATTATCAGCTTTATATTATGTCC
TTCTGAGTTGGTGAAGGTGTAGGATGCAAGTTCAAGGTAAGTCTTCTGTTCCAGTTTCAAGTAGATACAGT
GGTCCAGTCGATTGTGCCCTTAAACAATAAAAAACAGAAGGGGCTACTGGTCTTTTCCGCGGAGGTTTTACAA
CATTTTTAAGGGAATCAATTGGAATGCTGTATTCTTTAGCGTTTACGAGAATGTTTCGCTATTACATGCATTAC
AATTACATTCTACTTCAAATTCAAATGTCCATGGCAACTTAATGGACATGGGCATTGGGATTTTGACTGGTGGC

CTTGGTGGTGTGGGTTTCTGGTTAGCTGTTTTGCCCTGGATGTTGCAAAACTGTAATCCAGACGTCTGCAG
ACAAAAACGCCACCAGAAATCCGTTTCTAGTTTTGAGATCGATATATCGAAACGCTGGGGATAAAGGGATGTA
TACAGGGATAGGTCCAACCATACTTCGTGCAT

>trans_s_1473 NM_121025|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein
(AT5G09880) mRNA, complete cds

AATTAAGTTTGGAAAGTTAAATAACATGCTGTTATTGCTTCCATAAAAAGAAAGCAATTGTTGTTAGGTTTCATC
ATTTTATATTGATGGTACTTGAATTAACGGAGAAGAGAGAGGGCAGGTAAAGGTAGGGAGGATAGTGTAGG
GAACTGCTCTTACACTTCATGTATTTGCTAACGTATTAAGACTTCATTTGATAACTGTTGGGTAAATAATTAAG
TTTTTGAAATGCACCCAATATTATGTTGTCCACTTTTTACTAATGTTTTCGAAAATAAAAGGGTAGCTTTTTTA
AAAAATAGTTTTTACAAATTTTGAAGTGAAGCATCCAAATTTTCTTTCTAACAGTAATTAATTGGGAGAAAACAA
ATCTAAATTTGAAAACTAGAAGCTAAACACAAATGTCCTATCTTTTTGTGTTTCTTGAACCTTTGTATCAA
AAGTGATGCTCTCTCCACCTTTATATCAGAAGAGAACATACCTCTCGATTATATGATCAAATAGATGTTTGTTC
ATTTTTTCATCGTCTTTCTTTTATTATTTTTCAATGTGCAGAAATAGCGCGGGATGTGTGTATCTGCAGTAT
GATACCGTGGAAGCGGCCGTAAATGCTCAACGTGCGATGCACCTGAGATGGTTCGCAGGCAGACAGATATCA
GTTTTATTCATGCAACCACAGGTGTATGAAGCTAAGTTTATAGGAGCTTGAATGCCGTCTGTGGTCTTATCAG
GAGATTCCTCTAAGCAAATCCATGCTCTATATTTCTTGGGTGACATCCCGTCTGTTGGTCAATGTCTAATGT
CTAATGTCTTGTCTTTCTGTAATAAGTGGGGTGGTTATAGAAGTACTGGTTAAAATTGCGTCAATTGTCTTGA
TAGAAAAGTAAAACGTTCCGTTCTTTTTACATGGGGGTGGATATTGGTAACTATTCTTAATTTCTGCTTTGTAA
ACACCCAGTGTCAGCGAATACTTTTTGTTGGCTTGGATGCATTTAGTGTTGACTTTTCATGAACATTCCTCTTG
TAATGCATTTTGCATTTTGTAC

>trans_s_1474 AB236122|Pisum sativum coxVb mRNA for cytochrome c oxidase subunit Vb,
complete cds, note: PscoxVb-1

CCATTTCCAAAAGCATAGAACTGCTGAAAGGGCGAGAGAGTGAAGAGCAAAAGAGAGCCAAATTCGCCGTT
CAAGAGGTGCGACCTGAGATCATAGCCGGAGTATTCACCGTTTTCAATCTACGATGTGGAGAAGATTGCTCTC
TTCGTCGCTCAAATCCTTAAATCTCTTCCCTCTTCATCGACGCCTGCATCCGCTCCGTTGGGATGCATTTCCCA
AGCCGCTCGACTCGGTGCTGCTTCTCATCTTTCTCCTTCTCGACTGTCTCGCTTTTCGCTCGCCATTACGCCTCT
GATTCTGCTGATACTGGTCTGAAGAAGAAGGTTGAGGATGTTATGCCAATCGCAACCGGACACGAGCGTGAA
GAGCTTGAAGCTTCTCTTGAGGGAAAAGACATACTTGACATAAATCATCCTGTTGGCCCCCTTTGGAAGTAAAGG
AAGCACCTGCAGTTATCAAGTCATATTATGATGAAAGAATAGTTGGATGTCCTGGAGGTGAAGACGAGGATG
AGCATGATGTTGTCTGGTTTCGGCTGAGGAAAGGAGTGCCACATGAGTGCCCTGTGTGCTCACAGTACTTTGT
GTTGGAAGTTGTGGGACCTGGAGGCTCGCCTGATGGTTATGGAGATGATGATCACCATCATTGATTAACAGTC
ATCCATCTCGAGAATAAACTTGGCTTTTAGACGAAGAAACAGATATCACAATTGGTGCTATTTAAAGCTGTGT
TTTGTGTTGTTTCTACTGTTCTTGTGTTTCTTTGCAAGTTCCTTCAGCAACAAAAGGAATTCTGAGTTTTTTCGAA
GTCAGTCGCGGACACTGGCAACTCATCTGCTAGAAGTACAATTTTTTTAGCTTTTCTTCTATGAATTTCCAAAT
AATTGAAGACATCTCAATTCTTTTCAAACAACTCCTTGATCTTAGAAAATAATCTCATGAACCTGCGGAAAC
AAATCGATTTTAGGAAGTTTGAAATGGCTGTATGGAAGTGGCTTTAGATGCCAACTCATTGCCACTTTTATTAC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1475 HM030994|Nicotiana tabacum DUF300 family protein mRNA, complete cds

TACATTGGTCTGTTGGAATTTATGGCAAGCAGTACTTTCTTTTTGTTCTTGGAATCAATCAAGGAATGCTATGA
GGCTTTGGTCAGATTTTGATCCTGCAGAACTTTTGAAATAGATTGATTTTTTTTTCTTTCTGTAACCTCCTAGT
TTTTCTTGTAGGTGATATCTAAGTTCTTGAGTTTGCTCTACAGCTACTTGAATATATCCATAAGCAAAAACATT

GTGCCAGATGAGATCAAAGGTAGAGAAATCCACCATACTTTTCCGATGACCCTCTTTCAGCCTCACAGTGCTCG
ATTGAATCATCACACAATGAAGCTTCTCAAGAACTGGACCTATCAATTTGTTGTGATTGCTCCTGTATGTTCCAT
CTTGATGATTGCTCTTCAACTAATTGATGTATATCCAGACTGGCTCAGTTGGACATTTACTATCATATTAAATGT
CTCAGTGTGCTTGCATTGTATTCCCTGGTGATCTTCTATCATGTATTTGAAAAGGAGTTGAAACCACATAGCC
CTCTCGCAAAGTTCTTGTGCATCAAAGGGATTGTCTTTTCTGCTTTTGGCAGGGAATTGTTCTTGAGATGCTT
GCTGCAGTGGGCATAATCAAGGCAGAACATGCTTGGTTTGATGTTGAGCACATAAATGAAGCCTTACAAAATA
CTTTTGTGTTGTGTGGAGATGGTTTTCTTTGCGATGATTGAGATGCTGTCATATAGTGCTAACCCATACAAATCTA
AATCTGAAGCAAAATCTAAATTGGAGAAGAAGGAACAGTGAAATCTCACTTGGTTTCGGTAACACGCATCAATT
TAGACGAGTACTTAATAATGAATCAGCCATAATGGTAGGTAGATTTGAGCTTCCATCATTTATGTGTGAAATA
CTGAATTTTACATATTGGAACCTTTATTTTGGCTATTACGGCGTTATAGGCAATATTGTTGTGGCATATCCTTAAC
CAAAATGAGCTTTTGGTATATAAACTTCTGTCACTTTTGGCTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1476 NM_001050103 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0614700 (Os01g0614700)
mRNA, complete cds

AAGGCAACTGAAAGCGAGTTGTTTCCACATCCAATCACTCACCTCATTTTCATTCAACTTCAAAATTCCTCTATT
CATTTTGATTTTCTCAAACCCATCTTTCATTTCAACGAATTTCTCTTCTCTATTCTCTGATCTCGATTTTGATCTC
ACGATCTCTCCAATCTCCTTATTTCTCCATGGAGGAGCAACAGCAAAAGACGCCGAAGAATCAAGAAATCCAA
GATGATCACGAAGACAATGAAGCAATTGAGCTTGTCTTTCAAGTCCGGAATGTTATGTCTATTTGATACC
GCCAAGAAAACTGCAGCTTCTACAGGGCTGATGAATGGGATGTGAATAAATGGGCTTGGGAGGGGAAAC
TAAAAGTCCTTAGTAAGGGAGAAGAATGCATTATCAGACTTGAAGATAAGAGCACAGGTGAGTTATATGCTC
GGGCGTTCTTGAGAGATGGAGAACAGCATCCAGTTGAACCTGTAATTGATAGCAGCAGATATTTTGTCTTCG
CGTGGAAGAGAATATTGATGGTCGCCTCCGGCATGCATTATTGGCATAGGATTTTCGAGAAAGAACCAGGC
TTATGACTTCCAAGCAGCTTTGCACGATCATATGAAATATCTCAACAAAAAGAAGAGTGCAGAAGAGATGGAA
CAACAGTTCCAGAATACATCCTCGGTTGATTACAGTTTGAAAGACGGCGAGACTATAGTACTTCAACTAAAA
GCAAAAAAAGCACTAGCAACATCAAGAAATCTACTGAGCTGGATCATGTGAAAGTTTCGTCATCAGAAGAAG
AAGGCAACACAAAAAAGAGTCAATTTTTGTATCAAACCACCTCCTCCTCCTCCAGCTCCACTTTCACCTGTTG
CATCCCAAAATCTCCTAAATATCTACCACCAATATCAATTTTGAAGAACCTTCTAAGAAAAAAGATTTAGT
ACCTGAAAAAGAAAACACCAATGATGCTGAAGTTCAAAGCACACTTGATATACCTGACGACGATTTTGGAGAT
TCCAGACAGCTGGGTGATGATGTGGACTGTGAT

>trans_s_1477 NM_117838 | *Arabidopsis thaliana* TIP2;2 (TONOPLAST INTRINSIC PROTEIN 2;2);
water channel (TIP2;2) mRNA, complete cds

ATCCCTCAGCTCCGGCGAGAATCTTCTACCTTCTTCTCTATTTACTCAACTCTTTCCTTCTTCGGTTTTCCCTCA
ACGAAAATGGTGAAGTTGGCTATAGGTTCCGCTGGCGATTCAATCAGTGCGGCTTCTCTTAAAGCCTATCTCTC
TGAGTTCATCGCCACTCTCCTTTTCGTTTTCGCCGGTGTGGCTCCGCCATTGCCTACGGTAAATTGACATCCGA
TGCAGCATTGGATCCACCCGTTTGGTGCGAGTGGCGGTGGCTCATGCATTTGCATTGTCGTGGGTGTGTGCG
ATGGCGGCCAACATCTCCGGCGGCCACTTGAACCCAGCAGTGACCTTGGGTTGGCCATCGGTGGCAACATCA
CCATCTTGACTGGCTTGTTCTATTGGATAGCCCAATTGCTTGGCTCCATTGTTGCTTGCTCCTCCTTCAATTTGT
TACCAACGGCAAGAGCATTCCGACCCACGGCGTGGCAGCAGGACTTGGAGCAATTGAAGGAGTGGTCTTCGA
GATAATAATCACCTTCGGTTTGGTCTACACGGTTTACGCCACCGCCGAGACCCCAAGAAGGGCTCTCTTGA
ACCATTGCCCCAATCGCCATCGGCTTCATTGTGGGTGCCAACATTCTCGCTGCCGGCCCATTTAGCGGCGGCTC
CATGAACCCGGCCCGTTCTTCGGCCAGCTGTTGTAAGTGGAGACTTCTCTCAGATTTGGATCTACTGGGTGCG
GCCCACTTATTGGCGGTGGCCTTGCTGGGCTTATCTATGGCGATGTGTTCAATTCCTCTTATGCCCTGTTCCTG

>trans_s_1478 DQ372898|Lycopersicon esculentum green ripe-like 1 mRNA, complete cds

>trans_s_1479 AF311720|Solanum soganandinum line 1 photosystem II 22 kDa protein precursor (psbS) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

>trans s 1480 AY108854|Zea mays PC0078397 mRNA sequence

AAGTTCACGTGGAGCCGCCATCACCCCTTCGCTTCTTCGCGGCTCCGGTAAGATTCTGATTGAATTTGAAT
CTCAAAAAATAACCGAGACCGACCAAGTTCGGGTGGCCGGTTCAAAAGCACTGAAAACCGGTGTACTTGG
TTCGGCCACCGACTTCGTTCAAACCGGACCCTGCGCAAGGCGATCGTGACGCAAAATGGCGGGAAAAATTGG

>trans_s_1481 BT029378|Arabidopsis thaliana At2g22370 mRNA, complete cds

>trans_s_1482 FJ984563|Tropaeolum majus lysophosphatidic acid acyltransferase 2 (LPAT2) mRNA, complete cds

AATCAAATCATCGTTTCCATCTCATTATCTTCAAAGTCCTCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCCTCTCATTTCTCC
AACTCTCTCCATCTGGTGGTGGAGCTTGGTCATGGCGATTCCCGCGGCCCTGGTGATCCTGCCATTGGGCGTTC
TCTTCTTCTTCTCTGGCCTCGTCGTTAATCTCATTAGGCAATATGTTATGTCTTTATAAGGCCGATAACAAAGA
ATGTTTACAGAAGGATTAATAGATTTGTGGCCGAACCTTTATGTTTGGAGCTTGTGGCTAATTGATTGGTG
GGCAGGTGTTTACAGATTAAAGTGTTTACAGATCGTGAAACCCTTAAATTAATGGGTAAAGAGCATGCACTTGTT
GTCTCTAATCACAGAAGTGATATTGATTGGCTTGTGGATGGATTCTAGCTCAGAGATCCGGATGTCTTGGCA
GCACGCTAGCTGTAATGAAGAAGTCATCAAAGTTTTTCCAGTTTTAGGTTGGTCAATGTGGTTCTCGGAGTA
CCTTTTTCTTGAAAGAAGCTGGGCCAAGGATGAAATTACTTTAAAGTCAGGTCTTTACGGTTGAAGGACTACC
CTTTACCTTTTTGGTTGGCACTTTTTGTGGAAGGGACTCGATTTACTGAGGCAAACTTTTGGCAGCTAAAGAG
TATGCAATTGCCAACGGATTACCTGTCCAGAAATGTTTTGATTCCACGCACAAAGGGTTTTGTGTCAGCTGT
AGGTCATATGCGCTCGTTTGTCCAGCAATTTATGATGTTACAGTAGCTATCCCAAAACCTCACCTCCACCTAC
AATGCTGAGACTCTTCAAGGGCAGCCTTCTGTGGTACACGTGCACCTTAAGCGACATTCAATGAAAGAAGTGC

>trans_s_1483 NM_001069208|Oryza sativa Japonica Group Os09g0249600 (Os09g0249600)
mRNA, complete cds

>trans_s_1484 NM_120301|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family protein (AT5G02230) mRNA, complete cds

>trans_s_1485 NM_180844|Arabidopsis thaliana ATGB1 (ARABIDOPSIS THALIANA GTP-BINDING PROTEIN 1); GTP binding (ATGB1) mRNA, complete cds

GTAATTGGTAGGGGTGGGGTAATACCGGTATTCATAGAAGAAAAGAACATTGTGTTGCAATTGCGGCAAT
CGGGAGAAATTGAAACAGAAGAAGCTTGATTTGGTCTATAATTATTTGACGAAAAGACAGAATTCGGTTAC

TTTCAGACGGTGGGAGCTCGTATTTGCTGCACTGGAAGCCAAAGCCCTACACTTGCAGCAGTTCTTTCTGTAAT
CCCTTCTTTCCAAGATTGCAGAATAAATAGGCCAGAGGAGGGTTTGAAGTTATGACGTTTGACCCCAAGGGTT
AAGAGAACTAATACCCGAGTAACTCAAAAGACACAATGTTTTCTTTATTTTATGGCCTCTGGAAGTACCTAT
TTAGTAAGACAGAGTTTCATGTTCTCATACTAGGAATTGACAAGGCGGGGAAAACAACCTTTGCTTGAGAAGTT
GAAGTCCTTATACTCAAACCTGGAAGGGCTCTCCCCTGATCGGATTGTTCCAACCTGTTGGACTCAATATTGGGC
GTCTCGAGGTGTTGAATGCAAAGCTTGTCTTCTGGGATCTGGGAGGTCAGCCTGGCCTTCGGTCTATTTGGGA
AAAAATTATGAAGAGGCACATGCTGTGATCTATGTGATTGATGCTGCTTGTCTTCAAAATTTGAAGATTCCA
AATCTGCACTGGAGAAAGTTCTTCGACACGAGGATTTGCAAGGAGCTCCACTTTTGGTTCTAGCAAACAAGCA
GGATCTTCCGGAAGCAGTATCAGCAGAAGAACTTTCTCGTTATCTCGATCTTAAAAAGTTGGACGAAAGAGTC
TACATGTTTGAAGCTGTTTCTGGTTATGATGGGATGGGGATAAAGAATAGTGTGAATGGTTGGTGGATATA
ATGGAAAGAAGTAAAAGAACCGAAATATTGAGAGCTCGAGCAGGTGTTAGAAGCCCTAATTGCAATTACAT
CTTTCTGTCCAGAGCATCCACTCGATCTGGCTTCTGTTATCTAGCTTTACTACATCTAGCTTTACTACAAAATGT
AAAGATAATATTGATTCAAAGGCTAATTGGT

>trans_s_1486 NM_001084944|Arabidopsis thaliana zinc finger protein (LSD1) (AT4G20380) mRNA,
complete cds

ATTGTCTGGCATTTC AATTTCCAACCGCAGTTCTCGCTTCCTTCCTCATCCGCTTAAGCCGGCCTCCTCCATAGCT
AATACCTTCGCCTCTTCCATCGTCTTCTTCATAACCAACCCTTTCTCCCTTCTCTCCTCCACCATTTTCTGATTTCT
TTTCGGGGCTTCTAAGTGATCGTTTCTGTAGAAAATCGGTGGTCGCGAGGAGGATCGGGAGAAGCAGCTA
TGCAGAGCCAACCTGTATGCAGTGGGTGTAGGAGCATTCTTCTTATCCAGGGGGGGCAACTAATGTATGCTG
TGCATTATGCAATACAGTCACCTCAGTTCCTCCTCTGGAACAGATATGGCTCAACTTATATGTGGAGGTTGCA
GGACGTTGCTTATGTATGCACGTGGGGCAACAAGTGTAAAGATGCTCATGTTGCCATACAGTGAACTTGCACC
TGCTACAAACCAGGTTGCACATGTTAACTGTGGAACTGCCGAACAACACTTGTCTTTCCATATGGAGCTCCAT
CTGTCAAATGTGCGATCTGCCACTATGTTACAAATGTTGGTATATCCAACGTGAGGGTTCCCATTCAGTGCAC
AGGCGTAATGGAACAATTAGTTCCGGAATGCCCCCTTCATCATCATCTCAGAGCCAAACAGTTGTAGTTGAGA
ACCCTATGTCTGTTGATGAAAGTGGCAAATTGGTGAGCAATGTCGTTGTCGGTGTCAACAGATAAAAGGTA
ACTCGGTGAGATGATGGTTGATTGATGGCACTTACTATTAGCGGCTTAAAAGGATGGGAGGAAGCGATCTAT
ATATCTCTCTAGTACATCACTATACTACTTGAATATGATTATGGTTGTGGAAATTTCTGTATAGTTTGTCTCCG
GATTTTCCCTCTAAGGTCACCATTATTGTTGAGTCAACTTCAATTTGAGGTTTCAAGATAACTTTTTACCCTGTGA
ATGCGATGTATATTATGGACCTGAAGAATTTGAGGGTCTGTACTGTATTACTTGTGTGGTTTCTGTACCCAATC
ATTGAGCTGTCTCGCAGTAAA

>trans_s_1487 NM_100310|Arabidopsis thaliana thioesterase family protein (AT1G04290) mRNA,
complete cds

ACCCATTGAGATATGGGAAAGACAAAAGGAATCGTAGATAATGATCCCAAGGTTGGTTCCCCCATGGATGAC
CTTCCTTTCAAATTTTCCAGTTCTTTGTGATGACTGCTCTTCGCATTGATCTCCTCCAACCTGGTCGCGTCCCTT
GCTCTCTCAAAGTCCCTGCTCGTTTGCTTAACGATAATAATTCCATGCGCCAAGGAGCCTCCGCGTTACTTGTC
GATTGTTTGGGTCACGCAGCGGTGAAGACTTAACCCCTTCCTCCACCGGAGTTTCCCTCGAAGTCAACGTCTC
CTTCTTCGATGCTGCTTATCTCGACGAGGAGATTGAGATTGACAGCAACGTTTTGCGTATGGGAAAGACCATT
GCAGTAGTTAATGTTGAATTTAGGAAGAAAAGCAATGGTAAAATTATTGCTCAGGGTTCGGCTACCCACCTACG
TCCCTGTCTCAAGCAAGTTGTAGTCATGAACCTTCAATATTGGACGTCGTGTTGCCAACCATTTTCTCTGCCAG
ATTACATTTTCTAGCTTCAATTGAAAGAAATGTACTAATAATGATAACATGTTGCAAGAAATGTAATGGTGAAA
ATATCACATTGTCGTAAGAAATGTAATGGGATGTTACATTTTGTGCATTTTCCAAATGGTAGTGTAGCTAAGTA
TAAGGCTGGCTTGGTAGCAAAGGGATATCATCAAGAGGAGATTGATTAGGGGAAAGCCTTCAGTGATGTGGT

TGTGAAGAAATCTATAAACTTATCATTCTATCTCTTGCTACTCAATTTGGGAGGAATTTGCAACATGACACTA
GGGATGCATTTCTCCCGGGGATGTTTCATGAAGGGGTTTATATGTGGAACTTCAAGAATTTGTTCAACAATT
CTCGCCCAATCTAGTTTGTAAAGCTTCTTAAATCTCTCTATAGATTGAAGCAATTGCCTAGTTAGTTTGTAAACTT
CTTAATCTCTACGTGGGTTGAAGTAAGCATTCTGCGCTTGGCTTGCATGTTTTACATCCCNAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1488 NM_122168|Arabidopsis thaliana phosphoglycerate/bisphosphoglycerate mutase
family protein (AT5G22620) mRNA, complete cds

ACCCCAAACCTCACCTGTTGCTTCTGGTAGTTCTGGAGGCAGGAAAGCAACAAAAAGGATCATACTTGTTTGCC
ATGGAGTTTCCGAGGATAATAAGGCGAGTTCTTCTTCTTGAGGACAAGCCAATGAACATTCTTGGGGTTAT
ACAGCCGCAGAAAGTTGCAGAGCTCCTTCTTGATTTAAAAGTGACCGCTGTAATAAGCAGTCCCAAGAAAGCT
TGTGTAGAGACGGCTGTAGCAATTTCCAGGGTACAAGAAGCTGCAGATTGCTTGGGTGCTGATTGTGTGCCTC
GCTATGTGGAGATGAAGCAGACGAATAAACTTGATGTAGAGAATATTCCCGATCATTTTAAGCAGGATGTAG
GTGACATTAATGTCTTTGAACCTGGTTGGTTAAACAAATTGAACGATGGGGTGATTACAGAAGTGTGGAATCA
GAGTGACGAAGCCTGGAAGTCTCTATTGAATGAGATGGCTGATGAAAAGGAGCCGGAAGATTGTTGTTGT
GGTGGGTCTATCCTGCCATTCTTTAGGATTGCTGGGGCAGTGCCTGAATCTCACAAAAGACTGGATTGGATCA
TTTCACCTGGATGCTGGAAGTATCAGTGTGCTCGACTTCCCTGATGGACCTAGTCGCAGAGGTGTGGTTTCGAT
GCATAAATTACACTGCTCATATGGGAAGATGGTCAATTCCTATTACTAGACCTACCGTGGATGATGAAGAGTT
TTAACGGTGATGGACAGAAAACACTAAAAGGAAGTCAAGACTTCTATAGAATTCGCCGGAACAGCATGTCGA
AGCCTCAAGTTGCCACATGCAAGAAAACCTAGGGTTTGTGTTGAGAGAGAATCTCGAGGCTACAGCAAAGAGG
GGATGAAGAAAAAGAGTGTGAGCAGTGAATTATGTTAGTTGTTTTGTAAGTTTGTGAGTTAAATAGTATATT
CTGATACTTTTNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1489 BT024622|Arabidopsis thaliana At2g42670 mRNA, complete cds

AGCTTGCGTGCGATCCCTCCGCTTCGCTGCAGCTCCCTCAGGGGCTGATAAGTTATGTTAAAAGAGAGGATCC
ACTGCCATGCAGATCTCTTGCTGTTGGCTACATATGCAGAATAAGTTTGAGTTACCATCCTGTTATAATTTTTAT
CATCATTACAGTTCATAAACTTATTGTAAAGACGTTATCAGCTTACTGGCTTCGGGCTTCAGTCCTTTCAGTTAA
GTTGGTACCGTCTTTGCGTCATGCCATATTACATACAGAGACTTTATAATACTTGCAAAGCTGCATTGTCTCCTA
ATGGACCTGTGTCAGAAGAAGCCCTTGAGAAAGTTCGTGCCATGTTAGAAAAAATCAAGCCCTCTGATGTAG
GCCTTGAACAGGAGGCACAAGTAGTTCGTAATTGGTCGGGACCTGTGCAGGAACGTAATGGGAGACGACAA
TCATTCCCACCAATTAATACTTGCAATTTGCACGAGTGTGATAGCTTCTCTATAGGTATTTTCTGTATGCCTCCA
ACTTCTATCATACCTTTTCATAATCATCTGGCATGACCGTGTGAGCAAACCTAATTTATGGTTCCTTACATGTC
AAGTCGTATGACTGGGTTGATCTTCAGGACTTGATGATATTTGGAAGCTCGACCCGAGTGCTTGTCAAAG
ATACAGAGATGACGGCACCTACTCCAACGACTGTCCTATATCCACAAGTGGAGGCAATATCCATAGCTTCAG
AGCCATCACACCCTGTGCTATTTTTGACATCCTTTCTCCCCCTTATTCATCAGAACATGGACGCCACTGTACTTAT
TTCCGAAAATCTCCAAGAAAGGATCTTCTGGTGATTTTCAATCGGATGGAGATGGAGATTAGTTTCTGAAG
TGACTTGGTTAGAGGAATATCAACCTCCCGACAACCTTCGTGATCCGGAGAGGGCAGTACAAGGGACCTGTGA
TTAGAACTTGATCGATATTCCTGTTTTAGTTGTACCATACAATTTGAAAACTGCATCTTCTAACTATGAAATAT
TGAAGCGAAATTCTGGGTATTGGG

>trans_s_1490 XM_002865042|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AKRP/EMB2036, mRNA

ATCGGAAGTTAATCGGAGAAACCATGTCGCTCGCCGCTTCCCTGAATATTCCTGATGCTAACTCTTCTCCTCT
CGAATTCGCCGCCTCTTCAACCCAATTCCAACAAGCTTCTTTCAATTCTTCTCAGACCTCGAAACGGAGTCT

CTTCTGTTTTCTTCTTCCCACTCTTCTTACTCTATCCAACCAGATGAGTTAGAAGATTTGTCATCGGCGATTG
TGTTATTTTCGAAGATGGCGTGTTTGACGACCCATATGCGTCGGATGATTGAGTGTGGATAGTTCCATTCCG
AGCACAGCGAAGTTTAAGCCCAAGAGCCCCGTTGTGGAGATTAAGCCCGAAAATCTGGTGCCAGATGAGTGG
AAAGAAGTGCAAGCGGAGATTACCATCACGAAGAAAGAGAGGCGGAAGATTGCTCAGGAATTGGAGTTCGG
TACTCGAGTTGAGAAGAAGAAGAAAGCGCTTGTTCTTTGAGGAGTGTGAATTTGGAGGAATATTTATCGTAT
AAGGAGGCGAAGATGGCACAATTGAAGCCACTTGTTCTTGATAATCCGTCTAGTTTTCCGGCGACTGAGGAA
GTTAATAGGACGGAGGATGCTATGAGCAGGTGAGCGAGCGTGTGGCGCCAAAAAAATCCTAAGTGGGCGG
TTTATGGTAGGGGGCTGGAGGATGTTCCGAGTCTTTAATAGTGGACAATACCAGCCTGCTGATAGAAAATC
TGAAGGACCTCGCAAGTTATTTTCAAAGAGGAAAAGGCTATGCTGAATAAAAGGGTGCCTGATCTTGCTTCT
GCTCATTCTGATATGTGGTTGCCTCTACATACTCTTGTCGGGTCTGGAGAATTTACCTTGTTGGATGAACTACT
AAAAACAATGTTGATATCAATGCTGTGGATAAGGTTGGTTTCACGGCTCTTCACAGAGCTATACTTGCAAAA
AAGCAAGCCATAACTAATTATCTTTAAGAGAAAGTGCCAATCCTTTGTTGAGATAAGGATGGCGCAACTTT
GATGCATTACGCTGTCCAANCTGCTTCGAGT

>trans_s_1491 BT025169|Arabidopsis thaliana At3g50850 mRNA, complete cds

AAGGAGAGAGGCGCAAACAAAACTTCAGTATCAAGTCTTCTGATCTCGACGGCGGCGACGATGACATTAGC
CCCATCTCTCTGATCCTTCCTGCGGAGGAAAAAGATGCTGTAGCATCTGAATTGCTCCACCATTTTCATCCCTTCA
ATCAACTCCACTTTATCGATCAGGCAACTACCTTCCCAAGGACTCTCCTTTCAGCTCTGGCCGGCAGCCACCAC
CCTCGTCAACCTTCTCGACGATCATCGCTCTCATCTCAAACCAACCCTCTCACACCCACTCTCACCGCCTTACG
CCACGCATCAAAATCTCCAACCTCTCAAAGTTCTCGAGATCGGCTCCGGTACCGGTATAGTCGGAATTGCCGCC
GCCGCCCACTCCGAGCAAAAGTGACCATTACCGATCTATCCACGTGATCTCCAACCTCCAATTCAACGTCGA
AGCCAACGCCGGGATTTTAGCGGCGAACGGCGGTTGCGTTCAGGTGACGCCACTTCATTGGGGAGAAACCAT
TGATGCGAAACTAATTGAGCTGGATTCGACCTCATATTGGCTTCCGATGTTGTGTATCATGACCATTATACG
ATCCTCTTATCCAAACATTGAAGGACTTTCTCTTAGGCGGAGGAAACCCCAATATGGTGTCTTCTGATGGCCCAT
TTACGGCGATGGAAGAAGGACTCGGCCTTCTCAGGAAAGCAAGAAAGTTTTTTGAAGTTGAGGTTTTACATA
CTGATCCTCCGCCGCCGGGATCGAGAATTGGAGTTGTTGTATACCGTTTTACTGCTAAGATGAGCAAGAAACC
GGCCATTGGTTCAGCAAACCAAGGTTGAATATTAATCCTTTAGTCCATTATCATTTTTCCCTTTTGCTTTATCCTC
TACTGATGATATGGAACATTTGTAGAAAAAATAAAAGATCACTAGGCTTTGTTCTTATTAGCCAATTAGGAAC
TCTGAAGTTCACTCATTGTTCTCTGCCATTGCATCATTTCAAGCAAATTCAGGATAAAAAATTAGTACAAAAAA
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1492 AY104165|Zea mays PCO134015 mRNA sequence

GGATATGTTGAAGAACTTATGATTGGATAAATTTCTACTTCAACAACCTCCAATAAAAAATTATTGTCTACAAATA
TTGAAATTAACCTTACAATTTTTGGTTTTAGAAAAATATTCGGAAGTAAAGCAAAGCCTTATTGTCGTTGTCGG
CAATTACTTCGGAGCCACCACGGAGAGAATTTCCGTGGTTGTACTCCACCAACGGATTTCTCATCCCCTTTTCC
TTTCCTTTTCTCTACCATTTCCGATCTGCCTATTTTTAGCGGAGGAGTCGCTGGAAAGTTCATCAAAATTCAGT
CAAATATGAGTGAGGTTTTCGAGGGTTACGAGCGCCAATATTGTGAAGTCTCCGCCAATGTTTCTCGGAAATC
CAACTCTTTCGCCGCCTCCGATTCAGAGCAGAAACAGCAGTGGCTTTCGGAAATCAAAGTTAGTTTGGATGAG
GCTGAAGTTTTGATCCGGAAAATGGATCTTGAGGCTAGAAGTTTGCAGCCAGGGGTAAAAGCTATGCTACTT
GCTAAGTTAAGGGAGTACAAAACCTGATCTTGGTAAACTGAAAAAGGAATTTAAGAGATTGACATCACCTAATG
CTGATCAGGCTGCTCGTGAAGAATTGCTGGAGTCTGGAATGGCAGATGCTCATTTGGCTTCAGCTGATCAAAG
AGAGAGGATGACAATGTCCATAGAGAGAATAAATCAGTCAGGTGAAAGAATCACAGAGAGTAGAAGAACCA
TGCTGGAGACCGAGGAGCTCGGTGTCTCAATCCTCCAGGACTTGCATCAACAGCGGGAAACTCTCCTCCAGTC
TCATAAGAGACTTCATGGGGTAGATGATGCCATTGATAAGAGTAAAAAAGTTTTGACCACAATGTCTCGAAG

AATCAGTCGAAATAAATGGATCGTCGGGTCAGTAATTTGGAGTTCTGGTACTTGTAATTATCCTTATACTGTAT
TTTAAGCTCTAATATCATCATCGAGATGTTTCCTTTGATACAAAATGAATTCTACTCTGATCATTTTTAGTTTCCAA
TCTACACTTGGTTGTCGATCATATATT

>trans_s_1493 XM_002864970|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata exonuclease, mRNA

AGAAACTACTTCTTCATCGGATACCAATCAATGTACCAAGTGAAGCATTGGCTCGGGCTATTCATGGTGACTTT
ACCATTGAACTTAAGCCACCTAAGAAAGGTCAAGGGGGGGATATATACTCTGCACTTGCCATTTTCAAGAATC
CCAAGGAGGCACAGCAAGCATTGAAGAGATTGAAGGTAGCGCAGATGAGGACTCATCTGGACGGCCTCAA
AAGCTCATCAGATTTCAACATTCTGGATCCATTGTCAAGTATCTGTGTTTCGCAAAATGGGACAAAAGGACTTTGC
AGACAAATTCTCGTCTAAGAAGAGAGATCTGGAGGTGATTGAAAACATAGTCATGTCCAAAAAGCAGAAGAC
TGACAATAAAATGGAAATTGAGACAATTTCAAACCTCAAGTAAATGTTGCAACCATGTGGAGGAGGTTGAAAG
ATTGAAGCAAGAATTGAAACGAAAGGAGGACTCGACTACTGTTGTGATCACGTGAATGAGGTTGAGAGCCT
GAAGGAAGAATTAAGAAGGAAGGATTATGAACCTAGTATCCTGCGTAAACTATCACCATTGTGAAGAAGGA
TAGCAAAAAGAAAAAGGAAAGAAGAGGTAAATTTTGTCTTTGATTTATGGCGAGATTATGAAGACATCCAC
AAACAGTTCCATCCTTCTATTACGCCAAGATTCAATTCCTACCGCCGGACGAATGATCTGACATAATTTATTTG
AAGACTCGGTTCCCTTGATAGATTATTGTACCAATCTCGCAGGGGCAAGAGAAAAAGGGTTTCGACTTCCCGGT
CTTATTGCTGAAGAGAATGGTATCGTGTATGTTTTGCCCAACTGCTTCAATAAGAGCTTATTCTTAGATTATT
GTACCAATCTTGAATGAGAGCTTTTTTTTTTGTTCGCTTTGTGCACCAAGTTCATTCATTTTCAACGTTTCTTTT
TACGTCTGGGTTGTCTAATTTCTGCTAAAAATATAAATTTTATTGAGACACTTCTCAATTTTGAATTGTATAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1494 XM_002889713|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata emp24/gp25L/p24 family protein,
mRNA

AAAAAGGTGAAATTTGAAAAGAGTACGCGAGAGGGTTCCAAAACCTTGGGCTCTCAAATACCGATCACCAAC
CAAATCCAACGCCATTAAAGCTCCAGCTTCGACCCTACCACTACATCTCCCAAGCCGTTTCTCCCATTTTTCA
TTCTAACGTTTCGCATATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCAGTTTTCTACAATTCAACAGAGAGTGACTGAGAG
AGAGCGCGTTCTTTGGAGAAGACAGCAATGGAACACTGGAGGATGATTCTGCCGTCTTTCCTGTTAATTTTCA
CCTTCTTGGTGACGGATCTTCTGCGCCCTACACATGCCATTTGGCTTAACCTTCCTTCAACAGGAACCAAGTGC
GTCTCTGAGGAAATCCACAGCAACGTCGTTGTTTTGGCTGATTATGTTGTAATCTCTGAGAATTACCCACAC
GCCACCGTTTCCGTCAAGGTGACATCGCCTTACGGGAACAACCTCCACAAAAGGAGAATCAAACGACTGG
GCAGTTTGCATTACCACAGCGGAGGCTGGCAACCATCTGGCATGCTTTTGGGTTGATGGTCATCATCAGGGT
GGTGGTGAAGTTAGCTTAAATCTCGATTGGAGAACTGGGATTTAGCTAAGGACTGGGATTCGTTGCAAAA
AAAGAAAAAATTGAGGGTGTTAGCTTGAGCTCCTGAACTTGAAGGGCGGTACAGGCCATTATGAGAAT
CTTATCTATCTAAAGAACAGGGAAGCGGATATGAGGATAGTTAGTGAAAAACAAATGGAAGAGTGCGCTG
GTTTAGCATAATGTCTTTGGGTGTTTGTATTTTTGCTTCAGCACTTCAACTCTGGTACTTGAAGCGATTCTTCCA
TAAAAAGAAGCTCATCTAAAATACTATTCTTTTTCTCTAGTCTTCTTTTGATTTTCTTTTCTTACACCAAGAAGT
ATAAAGGGCATGATACTAGATTGTAGACTATATGAACCTTTGGAATAAAATTTATCATAGAGTTGTTTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1495 AB234880|Trifolium pratense mRNA for BEL1-like homeodomain transcription
factor, complete cds

CCTCATCGGAACTCGACGGAATCACACAAGGAAGCCCGAAAAACAGAGAGGCCAGACATCCTTCATTCTC
AAACAACAACGTGCCTTTCATAAACATGGACATCAAACCTCGAGAAGAAGAAGAACATCAAAATCAAACCTCAC
AATCCCCATCATAATAATCATCACCATCATCTTCCAATGAAATTCGATGAAGATAGACAAAACAGAGATGGGT

ATTCATTTTTAGGCCAACCCCATTTCAACATCGGCGGATTGGCCAATACCCAATCGGAGAAATCGCTAGATTC
GACGCCGATCAGTTCACTCCAAGATTCTCCGGCAACAATGGCGTCTCGTTAACTCTAGGCCTTCCCCATTGCGA
ANATCTCTCCTTAAACCCAGCTACCCACCAAAGCTTCTCCCCAACAGAGCATCCATTTAGGAAGAAGAACAG
AAATTGGAAAACCCACTGATTTTTAGCCATTAACGCTTCTACAGCTCATTCTTCCACTGCTTTTGATACCATCA
ACATTCAAATGGAAAAAGGTTTGCTGCTCAATTACTTCAGATTTTGTGGCCTAAAACCAAATTTCAAAACA
CGGAGGAAAATTCAATCCGCCATTCTCAGATTCTGAGCAAACACAAATTGGAGGAAGAAATTGCTGTAAAGGT
ACTATTGTAAAAAAGGACACAACAAAAAGACAAAAAAGAAAAATTAAATAAGCAAATTTTAATAGTATAGTT
TTTAATTTTTTTTTTTTTCATTTACACTTTGCATAGAATTATAAATCTCAATCAGTGGGTAAATTAGAACTTTAGG
GTATATATATTTTTGGGGATTGTATATTGTTTTTTGTAAGGGCTTTTTTTTCTTAAAAAAAATGGGTAGAT
GGATTGTTATGATTAGATCAGTTTGGCTGGTGTAAATGTGTTATTATACCCATTATATATTATAAATATATGAATA
TTGATTTCAAATATATGTATATGGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1496 AY463613|Arabidopsis thaliana TAF12 (TAF12) mRNA, partial cds

ATTTCCACTTCAATGGATTCTTCATCACAGTCACCGTCCAAACCTCCCGCAGCTTCTTCTCCTCAACTACCTCCGG
CTTCAACTGTTTCTCCGCCACTAATTCGTCGCAGTTCGCCCGCAATCGTCCCCTAATGCAAGCCCTAGTGTC
ATCCGAGTTGCGTTCCAAAATCAGAACCCCAATTCCAAGGCCTCAACTCCTCTGCCGAACCAGCCTTACAACAG
ATACAATCTCTCCCTACTTCACAACAAATCACTAGGCCTTCCACCGCATTGTCTGGAAGTTGGCAACCGCCCTCG
CATTTCTCTCATTTTTCTTCTTCTCCCTTCTGTTTCTCTGGTGTTCTTCACCTCGCCCTGTTTCTGCTTCTTCT
CCAGCACAAAGGGGAGGTGTTGCCATTGGGGTTCCAGCTCACCAGCCAAGTCCCTCTCCTCAGCCTGCTCCGT
TTTCTGCATCTTATGGTCAGCACTTTGGTGGGTTGGGCCGAGGTGGCGTTAGCATATCGGACGGGGCTTCTAA
TTCAAATCCTTCTCAGAGTTTCCAAGGCCATGGTCTCTTGAGAGTACCATCAACAAGTTCTCCAAGTTCTTCATT
GCCAAACACATCACAAGGTATGCAACCCACCAACCAACCATGGTTGCCATCTAGCTCACAAGGAAAACTCCG
CTCCCAACACCTTCATATAGACCTCAGGCAAACCTCATCTGCTATGCAGCAAAGGTCACATATCCCTCAACAACA
GAACCATCCCTTAACTCCAGTTTCTCAGCAGCAGCAAATTCATCAGCTCCTCAACAACAACCTGCACAATCAC
ATCAGCCGCGAGGAGCATTTTACACAACAATTTCAACCATCAAGGAGCTCGCAAGGCTTACCACATCAACAACA
GGCTGCAAGAGCTCATGGGCCAGCAAACCCTAAGGCTTCTCCTCTTCCACCTGCACAACTAATAATGCACAG
GCATCGGCCCGGAGCAAAGCTATAACTGCAGAAATGGAAGAACCCTGAAGCATAATTCTCATCAAAAGAAGT
ATTGGCAAATTGGTTAAC

>trans_s_1497 NM_001054301|Oryza sativa Japonica Group Os02g0685600 (Os02g0685600)
mRNA, complete cds

TTATCTGGAGAGGTACATTATTCGTCGGTAACGTCGGTGATTCCCGGGCTGTTGTTGGTTCTTTAGGTAAATCT
AATAAGATAGTTGCAGAACAGTTGACAAGGGATCACAATGCAAGTATCGAGGAGGTTAGACAAGAACTCAG
GTCCTTGCATCCTGATGACTCACATATTGTTGTTATGAAGCATGGAGTTTGGCGTATCAAAGGCATAATTCAGG
TTTCAGATCAATAGGTGATGCATATTTAAAAAAGCCAGAGTTTTCTCTCGATCCATCTTTCCACGATTCCATC
TTGCAGAGCCTTTCGACGGCCTGTTCTTACTGCAGAACCATCGTTAAGTACAAGAGTTCTACAACCTAATGAC
AAATTTCTCATATTTGCATCTGATGGCCTCTGGGAGCATCTAACAAATCAACAAGCAGTCGAGATTGTGCATAA
TAACCCAAGAGCAGGAATTGCAAAAAGACTCGTTAAACAGCACTAACTGAGGCTGCAAGGAAGAGGGGAAA
TGAGATACGATGATCTGAAGAAGCTCGAAAAAGGCATACGACGGTTCTTTCATGATGGTATCACGGTTGTTGT
CATATTTCTGGACCATGAGTTGCAAGGGAAGAAAGTACGTGTACCAGAGTTATCTGTTCTGGGTTTTCCGAT
ACCGTCGGACCATCAAATATCAATGTTCTTCGAGGCATCGATGAGAATGGAAGGTCTGCTGGCTGAAGTTAAA
AGGTTTAACTTGATAGGATGAATCTGATTGTTAGAACACTCATATAGTAGCAGCTGTTACTTGCAATTTGGGTTT
GGGACTTTTTTTGAAACATTTGGTTGAGTTTATCAGCTTTTTTTGTGTTCTTTTTGCTCAAATTCCTTTTATGCAG

AAAGTTTGAGGTTCTTTGCTTTGCTTTCTGATTTGCTCATCTTATGGTCATAACTCTCTTATAACAAAAGCTGG
GAATTCATTTTGATTTGAATATGGAGCTGTTTTGCTTCAGAAAGTGGAATAAATTTTATTGGCTTTGGGATTTTC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1498 AY254349|Nicotiana attenuata lipoxxygenase (Lox3) mRNA, complete cds

CGCTTCGACATGGAAGGCCTTCCCGCCGATCTCATACGCAGGGGAATGGCTGAACCGGACCCTTCAAAGCCTC
ATGGACTCAAGCTTTTGATGGAGGATTATCCGTACGCTAGCGATGGGCTTCTGATTTGGGCCGCAATCGAGG
GCCGGGTAAAAACCTATGTCACTCATTACTACCCAAACCCTAGCATGATCCGCGAAGATGAAGAGTTGCAATC
CTGGTACTGGGAGTCCGTCAATGTAGGCCACGGTGATCTCCGCCATGAAACCTGGTGGCCGGAATTGAACAA
CTGCGACGATCTCATCTCCATTCTCACCACGCTCATCTGGCTCTCATCGGCACAACACGCAGCACTAAACTTCG
GCCAGTATCCATACGGAGGCTACGTACCGAACCGACCTCCATTAATGCGTCGACTAATCCCGACGAGAACGA
TCCAGAGTACACGATCTTCTGAACGATCCTCAGAAGTATTTCTCTCAGCATTGCCTAGTGCTCTGCAGGTAG
TCTAGTTCATGGCGGTGGTAGATACTATCAACTCACTCGCCGGACGAGGAGTACCTCGGAGAAAAGACAGC
AACCGTCGATTTGGACGGGGGATGCGGAGATGGTGGAGGCATTTTACGGATTCTCGGCGGAGATCAGAAGG
ATTGAGAAGGAAATCGATAGAAGAACTCGGATGGACGGTTGAAGAACCGGTGCGGCGCCCCTCCCCACCC
GTATGAACTGCTAGCGCCAAGCTCCGAACCGGGAGTTACTTGCCGGGGAGTTCCTAATAGTGTGTCGATTGGA
GGCAATTCATTTCCCGCCATTGTTGAGGTGAAGAGGAATATTTATATGAATTTATTTAAATATTTAGAGAAGG
AAAAGAAAATAGTAAATTAGGGATATTTTTGTAAATGCTGTAAAGCTTGAGCTTTAATATAATGATTAAATTAG
ATGAAATTAAGCAATAAAGTTTGTCTATAGGATGTATAAAATGCATTGAGCTTAATGTAGCACAATTTTAAAT
CGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1499 NM_179666|Arabidopsis thaliana CLASP (CLIP-ASSOCIATED PROTEIN); binding
(CLASP) mRNA, complete cds

ATACAACGACGAGGCTGCTCTAGACCTTGAATCTCATCAACACAAAACCTGTAAGTGTCAACTCCATGGTGGAC
ACATCCCCTAGCATTCTCAAATCTTCACCTGATCAGTACTGGCAATAGTGAAAGCCCTTCTGCAAGCAAATG
CAGTGCGCTTCAACAGTTAATTGAACTTCTATAAGTAGTGATCCATCCATTTGGACCAAGTACTTCAATCAAA
TTTTGACAGTGACACTGGAAGTGTGGATAATTCTGATTCCTCTGTACGTGAGCTAGCTCTTTCATTGATAACT
GAAATGATTAAGAACCAGAGGGATTCTATGGAAGATTCTGTTGAAATCGTGATTGAGAACTGCTTCATGTTA
CCAACGACATTTTTCCCAAAGTATCAAATGATGCGGAACATTGCCTGACTATTGCGTTATCTCAGTATGATCCA
TTCAGATGCTTAAGCGTAATTGCTCCTTTGTTGGTTACTGAGGACGAGAAAACCTTGTTACCTGCATCAATTG
CTTGACAAAGCTTGTAGGACGGCTCTCGCAAGAAGAGTTGATGTCACAGTTACCCACATTTTTGCCTGCTCTCT
TTGAAGCATTTGGACATCAGAGTGCTGACGTAAGGAAGACTGTTGTCTTCTGTCTTGTGACATCTACATTATG
CTTGGGAAACAATTTTTGCCACATTTGGAAGGACTCAACAGCACTCAACTACGTTTGGTCACAATTTATGCCAA
TCGAATTTGCAAGCTAGGACGGGAACAACCATTTGATGGCAGTCACGATTAGGGAGTTTGCTTGCTTGTAAATG
TAACTTCTGATGTGAAGTAAGTGTAGTATATTCCATTCCCTTGGTTTAATTCTGTATATTGTGTGAATACATTAT
GAAGGCTCTATCCACTGACCTATAAATTTTTTTCTTTTCAACCCATTATATATTCTTTTCTGTCATTTACCCAGAT
TGGGTGGAAGTCAAGAGTGTTTGAAACTCATTATGAAATTCAAGTGATTGAGCCCAATTTTGATTTTACCATT
CCTGAATATTATTATAT

>trans_s_1500 AY106318|Zea mays PCO134492 mRNA sequence

ATATTTATTATTAATGTAGTAAATACTAAATAGAAAGTTAGGTCACGCCGCCTCTATCATCTCTTGGTCACTCTC
TCGTCTCGGCCTCTCGTCTGACGCCGTGCGCGGCGTTCAATCGTCTCTCCTTCTCAGTCTCCGGCGTTTCATCGCC
GATCGTCTCTACTTCTCAGAAGTCTCCGATCATTCGCTGGCGCTTGGCTCTCCCTAACCGTTGCTTTGCTTTGTT
GTGTTGCCGTTGGCTACGATACTTTTGCATTCAATCGGATTATTTTCTAATAACTTTTGCTTAAGAAATTTA

GGTTTGTTATTTGCAGAAGAAAAGAATGAGGTTGGAGAAGTGTTGGTTCTGTTCTCCCTATATATCCAGGA
CATGGTATTCAGTTTGTTCGCAATGATGCAACGATTTTATAGATTTGTGCGATCAAAATGCCACAAGAACTTCAA
GATGAAGAGAAATCCTCGTAAAGTAAAATGGACTAAGGCTTATAGGAGGTTGCATGGAAAGGATATGACAAA
GGACTCTACTTTTGAATTTGAGAGGTGGCGTCATAGACCACATAAATATGACAGAAATGTCACTGAAGATACA
TTGAAGGCTATTAAGAAGATTGATAAAATCAGAATGGATAGGGAGTCGAGACATATTGCACGCAGACACCAA
GGAAAGAAAGCAAAGGAGTTCAGAGAGGCAAAGAAGGAATTGGATCAAAGCATCAGTTTGGTCAAAGCACC
TTCCGTTCTCAAGGAGGATCCTTCCCTCACCTTCCAAAGCTCAAAGTCAAAGTGGTACCAACACAATCAGAGC
AAGATCGTATGGAAGAATGAGTTTTCAATCTTATATCACTATATCAAATATTTACGTAGTAGTTACGTTTTAA
TATCTAGAACTGTCACAGTTCTTGTGCAGTGGTAGATTATCTTTGTTTGTCTCACGCAAGAATGGTTGTCATG
TACAATTTCAATTTGTAGACAGATTTCTAAAAATTTTATTGAATCATTGCCAACTGGTTTTTGCGGTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1501 AB182936|Citrullus lanatus mRNA for RING zinc finger protein, partial cds

AATCTTCTTCAATCTTTACCTTCTCTACAACCTCACTACTTTTCTTCAATTTTTTCCCTTTTCGATCCTACTTTCTCT
GTTCTCGAGTCCTAAAAGCAATTGAACTCTGTGGTGAAGAAAGGCTTGCTTGCAAATTACAACCTCTAAATCAT
TGTGTATTCTGATCAATCTACTAATTTTATCCGGCTGTACCGACTGAGTTTGTGAAGTTTGCTTTAAACACGAT
GGGTCTCTCCAGTCTCCAGCTCCGTCTGAAGGAGTTCTGAACGTGATTCTTGAAACACTGCTCTATCTATTTCT
CTTGTTCAAATGCATTGTTTCGTTTAAATCCTTACATGGTAGGAATCCGTCTCTCATGGCCATCATCTGTAGTCCC
TTCAACAGATTCCTTTGAAAGTTCCTCAGAGTTGGGAGATCCCATTTTTGGCTCTTCTTGGAATTACCTTGACAT
GTTTCGAAACCGATATCCAAGGATTAGATTTGATAAAGTACAGAGTTCAGAACGTCGTGAACATGACTGCTCG
GTCTGTTTAACTCAATTTGAACCTGAATCGGTGATAAATCACTTATCTTGTGGCCATCTTTTTACACAGAATGC
TTGGAGAAGTGGCTGGACTACTGGAACATCACATGCCCTCTTGCAGAACTCCTCTAATGTCTGAAGAAGAGA
AATCTTGCTTTTGGATATTTGCTAAAGCATTATGATCATTTATCGAAAAGTCTCACGTCAGGCTTCAGAAAAG
AGAGGTTTCGAGAAGTACTTCACTTAGTCTTTCTATTGTTGTCTTTTCTCCATCCTCACTACGCTTAACTTGAC
TTGAGTTGGTAATAGTCATCTTCATATTTTTGTTAAAAACCCCATGCTTGTATTCACTTGAACAGGAGTGG
TACCCCTACTTGTTGCTAATGGACTGTAGCTAGGACAAGGCACGGTTCAGATACCAAGTCTTTCCTATTGGAC
GTTTCTTGCAATTTTTCAGCTCCTTAAACCTACTAAAATCAAAGTGAAATCTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_1502 NM_001066004|Oryza sativa Japonica Group Os07g0418000 (Os07g0418000)
mRNA, complete cds

AACAACAAAAGGAGAAAAAAGGAAAAGGAGAAAAAAGTTCGAGTCTTCTATCTATTATCCGATCGATTG
GTCGGTGAGAAGCCAAGCAGAAGATGGGAGATCTCTATGCTTTGGACTTCGATGGAGTTCTCTGCGATAGCT
GCGGTGAAAGCTCTCTTCTGCTGTTAAGGCTGCTAAGGTAAGATGGCCTGGACTGTTGACGACGTGGATTG
CAGTTTGGAGAATTGGATTGTGGATCAGATGTACACGGTCCGCCCTGTGGTTGAACTGGATATGAGAATTTA
TTGCTGGTGAGGTTGCTGTTGGAGATGAGATTACCCTCAATTAGGAAGTCTTCGTTGCGAAGGGCTCACA
GTTTCATGGAATATTGGAGAATTGGTCAAACTCAAACAGTTATCATGGAAGAATGGGGAGAGAAGAATAGA
GATGCTCTCATAGACCTTTTTGGAAAGGTTAGGGATCAATGGATTGACGAGGACTTGGCAACTTGGATCGGTG
CAAATAGATTTTATCCAGGTGTTTCTGATGCTCTGAAGTTCGCAAGCTCAAGGATATACATAGTTACCACAAA
CAGGGTCGATTTGCCGAAGCTCTACTACGTGAACCTGCTGGAGTGACCATACCTCCTGAAAGAATATATGGTC
TAGGGACGGGCCAAAGGTAGAAGTGTTAAAGATGCTTCAAAAGATGCCTGAGCACCAAGGATTGAACTGC
ACTTTGTGGAAGATCGATTGGCTACGCTAAAGAATGTCATCAAAGAGCCTGAATTAGATGGGTGGAACATAT
ATCTGGTGGACTGGGGATATAACACACAAAAAGAGAGAGAGGAAGCAGCAGGGATTCAAAGGATTCAACTT
CTTCAGCTATCTGACTTCAGTACGAAGCTCAAGTAACACTCTTCATTTTTCCAGTTGATATTGATGTATCCTTCT

TGCAGATGAATGCTATTCCTGATTATTTATCTAAGACATAATCCGAATTGATATTCATCTTTAATAATTATATTTCTTTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1503 NM_001055341|Oryza sativa Japonica Group Os03g0123600 (Os03g0123600)
mRNA, complete cds

CTTCTTTTCTCTTCTTCTACATCTTTTCTATACCCTTAATTCTCATACTTTGAACAATTTTCAAGCTCTATTTCAAGCA
TTGTTTTGCCTTCTCTCTAGATTCTGGTTGTTGGGCAGCCATGGCTATGCAGCAGCAACATCTTGATAAGATGC
AACTCCGCCAGAACTATCGTAATCTCTGGCACACTGACCTAATGCGTACCATTGAGGCTGACACTCCCTATTGC
TGCTTTGCGTTGTGGTGTGGGCCTTGTGTATCCTATTTGCTTCGTAAAAGAGCTCTATACAATGACATGTCAAG
ATATGTGTGCTGTGCAGGCTATATGCCTTGTAGTGGCAGGTGCGGAGAAAGTAAATGCCCTGAATTTTGTCTG
TGCACAGAGGTTTTCTCTGCTTTGGGAATTCAGTGGCCTCAACTCGATTTCTGTTGCAAGATGAATTCAACAT
ACAGACAACACAATGTGATAATTGCATTATCGGTTTTATGTTCTGTCTACAACAAATAGCTTGACATATTTCCAT
CGTTGCTTTGATAGTAGGAAGTGAAGAAATTCAGGAGGCTTCACAGCTGCTCTCTTGTGCTGGCTGATATGGTT
TATTGCTCGGTTTGCATGTATGCAGACTCAACACAAAATTGAGATGGATAAGAGAGATGGCATGTTCCGGAC
CACAAGTAATGGCAGTGCCTCCTGCTCAATATATGTCACGGATCGATCAGCCAATTCCTCCCTCAGTCGGATAT
CCACAACCTGCATACGGACAGCCTGCTTATCCTCAGCCTCAAGGTTATCCAGCTCCGGGCTATCCACAACCAGG
TTATCCCCCCTGATATAGGTAATATCTGCACTCTTCCGAGATTCCGCCATCATTATTGTGTTTTTTGTCC
ATGCTTTTTTGATTTTCATCCAAGTTTGTGCTCTCTCTCACTTGATGTGTCGATTTGTATAATGAATTAATA
CAGAGTACATGGTGTGAAGTTGGTTAAAGAATGATTTGGATGTGCTAAATTTCTCTACTAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1504 XM_002299177|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ACAAAGTAAACGACAGGAACTGGAAGCTATGATTTGGTCATCTGTTGAGTGAGTCGGGAGCTTCGTCGTGGG
GCTATGGCCAAGGCCGATATGAGTCGAGTGGTAAAGGATCAGAGCCGGGTCGCCATAGTTTCAATGGAAGA
AAACAAGCAAAGAAAGTGGAAAAGAAAAGGCACTTCGTCCTCCTCGCCTTCTGTTAACAGTTTGGACGATGGT
TGTCTAATGCATATTTTCACTTCTTTCCCCATACCAGATCGGTATAACACCGCCCTCGTTTGCCACAGATGG
CGTTACTTGGCCTGTCATCCTAGGCTGTGGCTGCGAGTAGAACGAACATTAAAGATTTATCTGAGCCGGGAG
TTTTCCCGACCATCGAGGCGGCTGTTGCTGCTGCTAGGCCTGGTGACACCATACTTATTGCAACAGGTGGAGT
TCATTCTGCCTCTAACATTCAAATAACAAAACCACTTTGCCTGATTGGTGGAGGTGAGCTTCCTGAGGAGACTA
CACTTTTCTGTACTCGTGGTTCAGAGAGTGCTTTGGAGTTCCTGTCTACCAGTAAGCTTTCTAACTTAACAGTCA
AGGCAGAACTTGGTTGCTGCTTGTTCACAGGAAGGGAAGATTGATTGTAGATGGATGTGTCCTCCAATGTGA
GTCAAACCTTTGGATTACCTATCATGCCCCATTGTTGTACAGCAAGTCCAGATAAGTTATTGCCTTCCTCAGT
GAAGGGTGGTTATACACACGGCGTTTCTGTCTCTCACTCGTATTGAAGGCGGGGCCAAAGCTGTCCTAACA
AGTGAGGACCTGACATTACAGCATGTTGAGTTATTTATGCTCGAACGGCTCTTTATTTTGGTTTGATGTTGA
ATACAAGTTATAATAATGGTGTGTAATCTATTAGCAATGTGCATTTGTTACGAATTGTTAATCTTTTAGGTATG
TTTGTTATATTGGTGATTATTTAACTCGTATTGTGTCTCTGTTTATGCTTTTGTGATAATCCCTTTCAATTTGTGT
GATTGACATCTGTGTATGTTGAG

>trans_s_1505 NM_122001|Arabidopsis thaliana plastid-lipid associated protein PAP-related /
fibrillin-related (AT5G19940) mRNA, complete cds

GTAAAGACAACCCCGCAATCCATCTCGTCGTGGGTCCGACCTCCGATTCTCCCCACGCAAATTTCAAGCGGCG
AGCCAAATGCCATCCAGCGTTCATCTTCTGATCCTGTATGACTTCCATGGCTGCCTCGGCAACCTCCGTTGCA
CTTTTGCCTTCAAACTGGTTTTAGGGGACGATTCGAGCAGTCGAGATCGAAGTTTCTTACTCCAAGCTCAGC
ATCCTCAATTCCATGTCATTCCATTTCAATTTCACTCTCCGTTCCATCGGCGCAAGCCATTAGGAATTCAGGCGTC

GGTTTCGACCTCGGATCCTCAAGTCCGAAGTGGTCCTGATGATCTCGTTGCGTCTATCCTCTCGAAGGTGACAG
GAAGCGATAGAGGAGTATTACTAAGTGAAGAAAAGCACAAAGAGGTTGCTGAAGTCGCGCAAGAATTGCAG
AAGTATTGTGTAACGAGCCTGTAAATGTCCTCTCATATTTGGAGCTTGGGATGTTGTGTATTGCTCTGTACC
AACATCGCCTGGGGGTGGATACAGAAGTGCAGTGGGTCGCATTTTTTTCAAGACAAAGGAAATGATTCAGGT
TGTGGAAGCTCCTGATACTATAAAAAACAAGGTGTCATTTTCTGCCCTTGGTTTCTTGGATGGACAAGTCTCTT
TGACAGGTAAATTGACGGCATTGGATGATAAATGGATTGAGTTGTGTTGAATCGCCTGAACTTAAAGTTGG
AGGATTAGAGTTTCGATATGGTGGCGAAAAGCGAGGTACAACCTCCAGATTACATACATAGATGACAAGGTTTCG
TTTGGGAAAGGGTTCTAGAGGTTCAATTATTTGTCTTCCAAAGACGAGTTTGAAGTTGCTAAATTAATGTAGTC
AATGCTCATCATTTGATATCTCTATACTAATTTTACTCTTGTGTAGAAAGCTAATATCATCAATATAGATGAGAG
TTATATTATCACGAATATTCTTTTACTTCTTTTAGGAGGAATGATAGAAAATATCTCAATTCGTATTACTAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1506 NM_001057571|Oryza sativa Japonica Group Os03g0708400 (Os03g0708400)
mRNA, complete cds

ACCGCAAAAAGTAAATCCACACTGTTTCCTCGTCGGCGGCGTCATGGGTACTGTCATCGACTCCCATTTCCTG
GCCCTCACTGCCATTGTCACTATTGGGTATCAACTGGCTTTCTTTATAATCACAGCTCTTCTCAAGTTTGACAAA
GTCACTGATTTGCTGGTAGCACAAATTTGTGATACTTGCTGTTTGACTCTAGTTCTTAAAGGAAGTTGGCA
TTTTAGACAGGTAATTCTGTCTGTGCTTGTAGTGGCATGGGGTCTTCGCCTTGGTTTTTCTTGTTAATGAGGAT
TTTGCAATGGGGAGAGGACCGGCGTTTTGATGAAATGCGCAGTAATTTGGGAAAATTGGCAGTTTTCTGGAT
ATTTCAGGCTGTCTGGGTCTGGACCGTAAGCTTACCTGTCACAGTGGTCAATGCAAGCAATCACAACCCATCTC
TCCGAGCTGCAGATGCAATTGGGTGGATTATTTGGTTAGTGGGTTTTCTAATCGAAGCTACAGCTGATCAACA
AAAATTGACATTTAAAACTCTCCAGAAAATAGGGGGAAGTGGTGAATGTTGGACTTTGGAAGGTCTCACG
TCATCCTAATTACTTTGGTGAGATCTTTCTTTGGTGGGGAATCTTCGTTGCTTCCACACCCGTTCTGGATGGTGC
TGAGTGGCTTGTGATACTTGGTCCAATATTCCTCACATTACTGCTTCTTTTTGTCAGTGGGATCCCACTACTTGA
AGAAACAGCTGATAAGAAATTTGGGAATGTGACTGAATACGTACATTATAAAAGAAAGACTAGCCCCCTAATC
CCACTGCCTACCGCAATATATGGAAACCTGCCCTCCTGGTTCAAGAAATTTTTTTTATTTGAATTACCTCTTTAC
AGCCGGAATCTTCTGGGGGAGACCTAACTGGTGTAGAACAAGCAAGGGAGAAAGCAGTGATAGATTGAA
GATGGGTTAGGATTTGGACTTGTTAGAATTCTTGTTTATTAGTTTGAAATTTGAATAAAGCTTTACGGCACTGC
TAGAAACATTCATCACCATTCT

>trans_s_1507 XM_002876630|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata universal stress protein family
protein, mRNA

ATCGATGAATGGATTTGTATAAAATTATGCAATTAGGCCTAAACAAAAAATGGATTCCGGGGGTGTGATCCAC
ATCCTGAGGCCAATACAGTTCTCGACGCCATATATAAACACACACACATATACCATTATTCATTATAGCAGCGC
TAGCTCTAACATCATCTCAACAAAAGTACACTCAAATCGAGGGAAAGAAAGACGATAATGGAAGCAGCGAAG
AATTCATTGAAGGCGAAGGGAGAGAGCCAGAGGATCGTGGTTGCTGTGGACGAGAGTGAAGAGAGTATGTT
CGCCTTGCAATGGTGTCTTTCAAATCTCACTTCTCCAGACACCAAAAAACATTTGATTCTACTCTACGTTAAGCC
TCCTCCAGCCATCTCAATCTCTTCTTCGATGCGCCTGGGTATGTGTTTTCAAGCGAGGTGATTCGGCGATGG
AAAAGCAGAGCAAGGATTTGGTTAGCGCGGTGATGAAGAGAGCGGAAGCGGTTTATGCGAAGTTTAGTAGC
AACGTAAATTTGGAGAGAGTAGTTGGGAAGGGAGATGCGAAGAACGTGATATGTCGCACGGTGGAGAAGCT
TGGAGCCGATACCTTGGTAATGGGATGCCATGGTTATGGCTTCTTCCAGAGGGCATTGCTCGGGAGTGTGAG
CGATTATTGTGCGAAATATGCAAAATGTCCCGTGGTTATTGTGAAACATCCTTAAGATTCTAGAGAAAAAAA
GAATAATTAAGCCACCAAGAGAATTAACGGAATTTAATTGGCATGATCTTTCTTATGAGAGGATGGAGA
CTTGATTTCTCATCTCGGAGCATTGTATTAAGAATAAGGTTGTAATCAACTGTACTATTATATGTTATAATC

>trans_s_1508 EF207443|Cercidiphyllum japonicum inverted repeat B, partial sequence;
chloroplast

>trans_s_1509 NM_128919|Arabidopsis thaliana cinnamoyl-CoA reductase family (AT2G33590)
mRNA, complete cds

>trans_s_1510_AB125974|Cucumis melo CMe-DREB1 mRNA for DREB-like protein, complete cds

AAACAAAACCCCAAATCCAAATCCCCTGTTTTCTCTCTCTAAAATCACCAATAATGAGTAGTAGTAAAGA
ACAGAGCCCTTCTCCGGAACAGAGTCCTCTTCTTCATCTTCTTCCGATTCAAACAAAAAACCCAAAAGAATTA
ATTCCAATTCCAGTTCGAATTCAAAACACGCAGTTTACAGAGGAGTTCGAATGAGAAATTGGGGGAAATGGGT

ATCAGAAATTCGAGAACCAAGAAAGAAATCCCGCATTGGTTAGGGACTTTCCCGAGCCCTGAAATGGCTGCT
CGAGCTCATGGTGTGCTGCCCTAAGCATCAAAGGAAATCCGCCATTCTTAATTTCCCTGATCTTGTTTCATCTT
CTTCCTCGTCCTGTTTCTTGCTCCTCGTGATGTTCAAGCTGCTGCTGCTAAAGCTGCTCATATGCATAATCTTT
CATCTAATGCTAATACTAACAACCATAATACTAATTCTAATTCCTCCTCTGCCTTTTCCGATGAAGTTAGTGAGA
TTGTTGAGTTGCCGGCTCTGGGAACGAGTTACGACGGCGGAGTTGGTGTGGTGGGGAGTTTGTTTGTG
AGTCGGAATTGGAATCAGCGGCTTGGCTTTACCAGCCACCGTGGGTGCAGAGCTTGCAGGAGGATTATGATG
ATATAGATAGAGATGGAGATTGTGGTAAGTTGGGAATGGGATTTGTTTCCAATGGATTAAAGGGTTTCTGTT
TGATTATTGAAAAAAAATATTTGTATTTATTTTCTCCTGTTCTGTTCTGTTTCATCAACTTCTTCTTCTTCTT
TCTTCTTCTTCATCATCATCATCATCATCACCATCATCATCAGTTGTTAAGAACTTAGGTTAATTTTTCTCAA
AATGTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGCTTTTGAGTCCTTTGGTTTTTCTTTAAAGGGCTTGAAAACTCTGTTT
TTCTCTTTTGGCCTTATTTTCTCTCTCAATGCATACAAGTGTACAGTGTTGACTGTTGAAACGATATGAAATC
AATTCCTC

>trans_s_1511 CT028217|Poplar cDNA sequences

AGATCATGCACTTATTACAAGGGATTCTGAAAGCCAGAATGTGAGTACTGAGGGGAAGGACGACCAAATGGA
CGTTCCTTCTTTGTGCAGTACTGAAGAAGCGCCAGAGGGCTCACTTTATTTCTCCAGCACACGCTCCCAAGA
AAGCATCCTCATTTACACGAAGCCGGAACGAGCAAATAAAGGAAGACTTGCTCCTGCAGTAGGGAAATTGG
CAAAAATTGAGGAAGAAAAGGTTTTCAATGGGAATACTACCAACCAAATTCCAATGTTATTGAGCCACGTAG
ATCCAACCGCCGTATTAGCCAACCTCAAGATTATTAGAGGGACTTCAAAGCTCACTGGCAATTTCAAAGATTC
CTTCTATTTACACGATAAAGGCCAACGAAGCCAGAACAGGAATGCATCTAGAGGGAACAAAACCTAAGGGG
GGGGGGCCTGTTGCACACTTGCTCTTAGCCAGGGAATCATCCTCTGCCGATAATTAATGTGACTTTAACAGTA
GTTTATATTGTTGTATTTACTATAGATAAATGTAGGAAAGGAACTCTTGCTTCCTTAGTTATAGTCCTACAAGT
TAGCTTTAGTTGTTTCATATTAATTGAAGTTCCCTCACATTTGTGTTCTCTCAATCTCCTCCTTACCATAACAGG
ATGTATATTGAAAACCTCCTTGAGGTTGGTCTTGGAATCAAAAAGAGGTAGTTTGTTATCCATTTATATC
ATCTTCCCCACCCCCACATGATCTATATATAATATCACATTAGTGTTGTGTGATTTAGAATCGAAGCATCTACT
CCGCTTCGTTCCCTTCGGAGTTAACTCTGACTTTGGTGATTTAAATTGTTACTGTTTACCCTCATTGCCACTGC
TGAGTACACTTGAAGAATGTGGTCAGAAGGCTCAGGTTACTTCCCAAATTTGTTTTATTCAACAATTTGGAA
CGTAGAGCAATGTTCTTATGTTATGGACACCTTACAAGTAAAGTTTTGCATAAATTGCTATAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1512 XM_002322108|Populus trichocarpa type-a response regulator (ARR3), mRNA

AAAATCACAATAAACGAACAAACCCCTCTTCTCCGATCTCACTGAAAATTTGGATCCTCAGAATCTCTGCTTT
TACTCTCCCATTAATTAACCAACCCATTTCCCACTTATAAGATGTCCCCATTTCCCTCTTCTTCCATCGCC
AACCTTTTTCTTCTCTCTCTCTTTTCTTACATGGCGACGGTTCTGATCTCTCCGCCGCAACAACGGACTT
GTAGGGGTTTCCGACGAGTCGAAACAGAGGAGTTCGGGTTCTGACTCAGCTTCATGTTCTTGCTGTTGATGATA
GTCTAGTTGATCGGAAGGTTATTGAGCGGTTGTTGAAGATCTCGTCATGTAAAGTGACTGTTGTTGAGAGTGG
GAGAAGTGCTCTTCAGTATTTGGGTTTGGATGGGGAACTAATTCTGTTTCAGTTTAGTAGTGGCTTGAAGGTG
AATCTCATTATTACAGATTACTCCATGCCTGAAATGACGGGATATGAACTGCTCAAGAAGATCAAGGAATCAT
CAGCTTTCAGGGAGATTCTGTTGTGATAATGTCATCAGAGAATATTTGGCTCGTATTGACAGTTGTTTAAAG
GAAGGGGCTGAAGAATTCATAGTAAAGCCAGTGAAATTGTCTGATGTGAAACGATTGAAAGATTTTCATTATG
GAAGGAGAAAATGGAGGGAAGAAAATTGATCTTAAGAGGAACTCCATCCCATCATGATCACAACCCCTTG
TCTCCGGCCTCTCTAGGGCCATCGATGACAGCTTTCGACCAATGCCAAGGATTTAAGCAACGATCGCCACCATC
ATTACGACCGTCACCGATCATACGTTCTGTCAAAGAAACCTAGGTTCTCAATGGCAACTAATTCACATGATGAT
GAAATCAAGTGGTAAAAGCTCTTTGTTCTTTTGTATAAAAGTTGATTGGTGTGTTGGGAACTCAAATCTC

CCATTGCTATTTCTTTTTCTTTTTGGGTCATTGCTGTTCAAAGATCTCAGAGAAGTAAGAAAAAAAAAGTAC
ATTGAAGTTTCAATGAAA

>trans_s_1513 NM_116261|Arabidopsis thaliana ANTR2; inorganic phosphate transmembrane
transporter/ organic anion transmembrane transporter (ANTR2) mRNA, complete cds

AAGCATTTGGAAGGAACCCGTGAAAGTTATTCCGTGGAAATTAATTTTATCAAAAGCACCTGTGTGGGCTCTC
ATAATCTCCCATTTCTGTCATAATTGGGGAACCTTCATTCTGTTGACTTGATGCCACATACTATAATCAGGTT
TTGAAGTTCAATCTCACCGAATCTGGACTCTTCTGTGTTCTGCCATGGTTGACCATGGCTGTTTTTGCAAACATC
GGAGGATGGATTGCAGACACGCTAGTAAGCAGAGGGTTTTCCATCACTACGGTTCGAAAGATCATGCAATCT
ATTGGATTTCTGGGACCAGCATTTTTCTTACTCAGCTGAGCCATGTTAGAACACCTGCTATGGCAGTATTATG
CATGGCATGCAGTCAGGGATCTGATGCATTTTACAATCCGGACTCTACTCCAATCACCAAGACATTGGACCAC
GATATGCTGGAGTCTTGTTAGGATTGTCAAACACCGCCGGCGTGCTCGCTGGTGTCTTTGGTACAGCTGCAAC
CGGATTCATACTCCAACGAGGCTCGTGGGATGACGTATTCAAGGTGTCAGTTGCATTGTATATCATAGGCACA
TTAGTCTGGAATATCTTTGCAACGGGAGAAAAAAATTCTTGATTGAATAGGAAGATTTTGTAGATGGGAAAAAG
AAGGATGCTTTCTTCCGCTGATAAACAGAACCGATATTCTGTGGCTAAATTAGTAAATTTAATGGAAGGAAAA
AGCAGGCAGGCAAGTCTGAACAACAAGAAAAATCCCCCAATTTTTCTTTTTCCATAAAGTTGCTGATGCCTTAA
CGACAGCTTCAAAAAAGGGGAGGAAAAAAAACAAAAAAAAGAGAACAAAAACAAAAAAGAGAGAT
AGATAAAGGAAAAAATCCACGTACAAATTATCCCACGCTTCTACTATTGACTGTCCTTGTATATTGAAGTTTTTT
ATTCCCCTTGAAAGTGTGTTGGCATAAAAACTACACGAGTAGAAGGAAAATTCAATTGTTATTTTGACAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1514 NM_001084999|Arabidopsis thaliana SNF7.1 (SNF7.1) mRNA, complete cds

AGTTTTGATTTGATGAACAGAAACCAATAAGTAGATTGCCGCGTGGAGACGAAACAGCGACTTGAAGAGAAA
GGGAACTCCAAATCTTCGACCTCCGTTTTCCGGAGCGTCTGACGAACCTTTCTACAATTCTACTTCAAATTTTT
TCATTGAATCTTTCGATTCATTCTCTGTTTTCTGAATTCGTTTCGGGTTCTCATCTTTCTGTTTTCAATCTCTCTGG
TTTCTCGACTTTTGAAGATCGAGAGAGGATTCTTGTTGCTTTGTATCAACAATGTTTAACAGGCTTTTTTGGTAA
ACCTAAACAAGAAGCCAATGCTTTGGCTACGTTGGAGAAGCTAAGCGAGACACTTGAAATGCTGGAGAAGAA
AGAGAATGTTCTTGTGAAGAAGGCAGCTGCAGAGGTTGAAAGAGCTAAAGAATTACAAGAGTGAAGAATA
AACGAGCGGCTATACAATGTTTGAAGAGAAAAGAGGCTATATGAACAGCAAATAGAGCAGCTTGGAATTTCC
AATTGCGCATCCATGACCAAATGATTATGTTAGAAGGGGCAAAAGCTACAACGGAGACTGTAGATGCTCTAA
GAACAGGAGCATCTGCAATGAAGGCCATGCAGAAAGCAACGAATATTGATGATGTGGACAAGACAATGGAT
GAGATCAACGAGCAGACTGAGAATATGAAGCAGATCCAGGAAGCGTTATCAGCTCCAATTGGTGTCTGAGCT
GATTTTCGATGAGGATGAATTGGAGGCAGAACTTGAAGATCTTGAAAGTGCGGAGTTGGAAGAGCAACTTCTC
CAACCAGCATCAACAGCTCCAGCTGCACCTGTTTCAGTCCCGGCAGGCCGAGTTCCTGCACGCCCTGCTCCTCA
AAAGAGAACTGCCGAAGAAGACGAACTCGCTGCTTTGCAAGCTGAGATGGCACTCTAATCAGGTAAATGGGA
TGGATCATACATACATTCATTCATATATGTCGTGGCTGACTGATTGTGTGCATCATCATCATCCAAAGAAA
TCTTCTGACGAGTGTTTTTATACGAATTTATTA

>trans_s_1515 NM_001185264|Oryza sativa Japonica Group Os01g0164700 (Os01g0164700)
mRNA, complete cds

AAGACGAACAGAAGAAGTCCCTCGTTTTGTTCTTCTTGATCTAACGATCATAAACTCAACCAATTGGTTCTTCTA
GGAACGTTAGCCGATTCAAATGAGTTCGCATCCATTGCAGAAAGACCATGTCCCGCGCGAGATCTAGGCGAA
TTGTACTGCCTCCCGTTCAAGAGCATATTATTAATAAGACGTTATCGATACTGGTGAATACTATGGGGCT
CAACAGATGTACAAATCTGTCAAGTACGTTGGCTGCAGAAAGGTACTCAGAAAGCCTTGGATATTCTTC

AGTCGGGGGCTTGTACCCAGTTGAAACTTGAGCAGATTACTTGTGGATCAGAGCTTGCTGTGTTATTTGTCTGA
GACACTCGTTAAAGGCCAAAGTTCCTTATGATGATAATACTCTTGATCGTGTGAGGAAAATTTACAAGAATTTCC
CTCAGATTCCATTACCTCAACATTTGGGGGAAGATGATGATATGCAACAACCTTTCTGAAGCACTTGGTGCTGCA
AAAACACGGGTAGAAAGGATGTTCTCTTTTTGAAAGCAGCTTTAAAGTGGTCTATGGAGTTTGGATCGCAAA
GGAGTGGATCTCCGGAATTCATATCATGCTTGCACATATATATATTCCGAGTCACCAGAAGTGGACATGAC
CAGAGTATCATATCACTTTGTCCGAGGAGATAACCCCAAGAAATTTGCTTCTACATTAGTGAATTTTATGGGCA
AGTGTATATCCAGGAGAAGATGACATGGCTATTGCACGGGCAGTTTTAATGTATTTGTCTCTTGGTAATCTAAG
GGATGCTAATGTCCTATTTGATGAGTTAAAGAAGGAAGAAGAACGTGAAGAACTCGAGCTTCCCGAATCAGA
CCTGATTGAGTTTATCGTCTATCTTTTGCTAACGTTGCAAAGAGACGCGTTGCCTCTTTCAATATGCTAAGGGT
GAATTACAAGTCAAGTTTAGAGAGAGAACTGCCCTGAATGAGCTTCTCGATGAAATTGCAGAGAAGTTTAT
GGAGTACGGCGCAGAAATCCTTTGC

>trans_s_1516 NM_122192|Arabidopsis thaliana harpin-induced protein-related / HIN1-related /
harpin-responsive protein-related (AT5G22870) mRNA, complete cds

AAATAATGAGAGAAAAGAGAATACAAGGCAAGTTTATTAGTTAAATCATTCCAACATCCAACTTGCAAAGCC
TCTCTTATATTAATCCATTCTCATTTCTTCTTTGGTAGTACTCTTCTTAAAGCAAAGCCTCTTCAATCAAAGT
TGGCTTCTTTTCTTAGCAGAGAACTATCCATCATTGAGCATGGCAGGTCTCCGAGCCACCGTCGCGAGCTG
GCCCCCAAGGATATTGCGTTTTGTCATAATTTTCTTAGTGGCATTGATCATACTCGTTGGCCTTGCCGTGCTCA
TTATCTGGCTGACTATTAGGCCGAAACGATTAAGCTACACGGTGGAAGCGCAGAGGTCCACAACCTTCGACAT
GACCAACACCCAACTCAATGCATCCTTTAGTTTTGGGGTAAGAGCATATAATCCCAATAAACGAGTCTCGGTTT
ACTATGATTCCATACCGCCACGGTTGGGTTCGGTGATCAAGACTTGGCGTTTGGCGTGCTCAGTCCTTTCTAC
CAACCTCACAAAGACGAGCAATGGTTGAACATCCACCTCAACGCTCAAACTTTCTATTGCACGATTCTGTGTC
GAAGGATTGGCATTGAAAGGTCAGCAGGAGAGATGGATTGGATCTTGGATCAAGGCAAGAATTAGGTT
TAAGGTTGGGGTATGGAAGTCGGCGCATAGGACGCTTGAATCCGGTGTTGCCGGTGATTGTCTACTTGTCT
AAATCCAAGACTTTCAAGAAGACTACTTGCTTACAGAAGTCTAAGGTTATGGAATTTGGTTTTTTGCTTTTAT
CAAAAGTGTTTTCTTTTTCTTCTTACTTTCTGAAAATTGTATTGTTGGTGTGGTTGTTGGGTTAATCTTTCAA
GTGTTGAATTTGTGAGCTGTGATTGTTGCTTGGTTTTCATTTATGTATATGCTCTTTTTGATCATTTTTTTGCTC
AGTACAAATGTCAGTCCATTCTTTAACAATAAGTGCAACCTTTGTAATTTGATTGATTAAATAATTGAAAT
TTTTTATGTAAA

>trans_s_1517 XM_002864798|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ATCGACGATGGGAAGGCGATCCATAAGGGTTGCACTTCTCGTCTTTTCTTCTTCTTTCTTTCGACCCACAC
AGTTTCTTCCACTCTTCTCTTCAATCATTGAATCAGGGTTCTAATTCTGCCAGTGGAAGTACTCCGAAGCAGG
ACTGGAACAATGCTCATGAGGTACATTGCTCGAGAGAAAGGAGTAGGGCGGCATGGAAAGTAATTGAGGAG
TATCTAATGCCCTTCGTGGAAAAAAGAAATACGAGATTTCTACTAAGTGCAGGCTTCACCTTGATAACGACAT
GTTTCAGAGATCAAGAACAGCACAAAGAGCCATCTAGATTTAATGACTGGAAGTGTGGATATTGTAGAAAAAG
ATTCTACGAAGAAAAGTATATCGATCAGCATTTTGACAATCGACACTATAATTTGCTCAATGTGAGTCGAAATA
GATGCTTGGCCGATCTCTGTGGTGCATTGCACTGTGACCATGTGATTGATGCAGTATCACAGAAAAGTAAATG
CAATCCTGCTGCTGCCGCAAGAAATAAACATATGTGTGAGGGTCTTGCTGACAGCTGTTTTCTGTGATGAG
GGAGCTTTGGCCAGCCATCTTCATGAATCTTCTGCGCCAGTTCTGTGATGCACACACATGTAGCGGAAAGC
CAAAACCTTTCTCCAGAGGTCGACAGGTCGACGAGTGTGTTCTACATTGTTATTTAGTTTTGACAATCCTTT
TTGTTATGTTTTCTATGTCTTCTTTACTTGTATAACAGGGGAATGAGAACTCGACCACAGGTGCTGAAGCGT
CTCTCACAAAGTGGAAGAAAGAAAAACCTTCTTAGATAGAACCTTTTTGCACATTCAATATGTTGATTTATTT
CAACATTGTTAAGAGGAAGAGTGAGAGGGCAAAGCTTATTCGTTTACTCGGTTTCCTTTCATCTGTACCTATAG

AATTCTCAATACAGATTCAAGTCCTAGAGATGAATGGGATCTTGTGTATCATAACATTTGTTTGAGAAATATCA
ACCATTTTCATCAAGGTTAACTT

>trans_s_1518 NM_001124016|Arabidopsis thaliana PHD finger protein-related (ING2) mRNA,
complete cds

CTCTAATTTCTTCTCCTCTTCTCTCATTCTTCATAGACGCTAGCACATTGCCTGCTGAACTTCAGAGGCTACTCA
ATACAATCAGAGAACTCGATGATCGATCACAGTCCATGATTGACCAGACTCGGCAGCAAACCAAATATTGCTT
GGGATTGTGACGCGAGAGCTCGAAGAAAGGATATGGTAATAGTAATAATGAGGATGAGGAGTCTGCTTTTGA
GAACTGCGGAAGGATATTGAGGCTAATCAGGATAACGCGTTGAGTTTGTGTACCGAAAAGGTCTTGTTGGC
ACGTCAAGCAGGCGACCTGATAGATAGCCATATTAACGACTTGATGAGGATCTAAACAACCTTTGCGGAAGA
TCTGAAACAAGAGGGGAAAATTTACCAGACGAACCAGCAATTCTTCCACCATTGCCACTAGTTTGAAGAAT
GAAAGACGCCGACCAGTATTTATAACACCTCAATCTAAGAGGCCAGATTACAGGGACCGAGATTGGGATAGG
GAGCGTGATCTAGATTTTGTGCTCATGCCTCCTCCAGGAAGCCATAAAAAGGACTTTGCACCTTCACTCGATGT
GGATCAGCCATTGATCCAAATGAACCTACGTATTGCATTTGCCATCAGGTGTCTTTGGAGATATGATTGCTT
GTGACAATGAGAATTGCCAAGGAGGTGAATGGTTTCATTATTCGTGCGTTGGACTAACACCAGAAACAAGATT
TAAAGGAAAGTGGTACTGTCCAACCTGCAGACTTTTACCACCTTCTCAATAACATACGCTTTGTTATCCTTTTGA
TTTCGACTTTTCTATGAAACCCCAAACAATTGGCTTGTAATTGTATCATGTAAAAAAGGTAGTGCAGTAACCT
ACGTGGACGTAGGTGAATTGGTTGGAACATTGGTTAAAGTATATATTCTCTCAATCAAGCGATCAGAAGCTTG
AATTTCCACTTCACACTTGTAGTGTATTTGAATGAATCTTTTTCATTTGGAAGTAATCATTTAGCTTGAGTAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1519 Novel Gene

GAGGGAAATTGAGTACCGAAGTCCGGATTTCACTGCGCAAGAAAAGCCTCTAGTTAGATCATAGGTGCCC
GTACCGCAAACCGACACAGGTAGGCGAGGAGAGAATCCTAAGGTGAGCGGGAGAACCATGTGCAAGGAACT
CGGCAAAATGACCCCGTAACCTCGGGAGAAGGGGTGCTCTCCTATCTTTTTCTTAGGAAAGCGGCACATACCA
GGGGGTAGCGACTGTTTATTAACACAGGACTCTGCTAAGTGGAACACGATGTATAGAGTCTGACACCT
GCCCCGTGCTGGAAGGTCGGAAGGAGAAGTGTGATAAGCTTTGAATGGAAGGGGGCCAGTAAACGGCGGC
AGTAACTCTAACTGTCCTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTGCGATAAGTAGCGACCTGCACGAATGGTGTACGA
CTGCCCCGCTGTCTCCGACATGGACCCGGTGAAATTGAATTCTCCGTGAAGATGCGGAGTACCAACAATCGAG
TAACGGAGTTTTACTAACGAGTCGGGTTGTTGGGAATGCAGCCCCAATCGGGCGGTAAATTCTGTCCAAGGC
TAAATATGGGCGAGTTTTGGGAACAAACCAACGGTGAGGATTGAGGGTTTTGATTGCCTTGATAGGGATAGG
CAAAATTGCAGCATCCCTGCTTTGCCTAAAAATACAAAGACAAAAGTCATCTTCGTATTACAGTTTCAAGAAAA
GCAAGATTCCAATACAAATAGAAGAAAAAAAAGATTCAAAGAGATGAGTCTCTCAAGAGAAGAAAGGTTA
CAATTACAATTTGCCTTCTTTTTGTGAATATGTTTGAAGTGTCTTTGTAAATGTAAATAAAAACTTGCCCAT
GTATACTAAAGCTGTGTATTTTAAGGCTTTCCCTTTTCTTTCTTTGAGTTGAGAAGAATGCGACGAGTGTA
TGTCACCTCTTGATTATATTTTGTAAATAGAAGTCTTAAGGTTGAGGAAATTTTCATTAGAAAGTTCAAAGT
GAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1520 FJ594405|Glycine max threonine deaminase mRNA, partial cds

ATATAATTGTAAATAATGCGGGTGTGATTAATAAGAAAGGTAAGATTTGGGAGATGAGAAGCATCTTGGAAC
CTGCAGGTGCTCTTCTCTTGCTGGAGCCGAGGCCTACTGCAAATATTATGGCTTGAAGGGAGAAAATGTTGT
GGTAATAACCAAGTGGTGCAATATGAACTTTGACAACTGAGTATAGTTACTGAACTTGCCAATGTTGGTCGT
GAGAAAGAGGCTGTGCTCGCAACTATATTGCCGGAGACCTGGAAGCTTTAAAAAATTTTGTGAACTGGTTG
GGCCTATGAACATTACAGAATTCAAGTACAGATATAGTTCTGAAAAAGAAGCTGTTGTTCTTTATAGTGTGGT

ATCCATATGCCTTCCGAAGTAGAGGAAATGAAGAATAGGATGGAATCGTCTCAGCTTCCAAGTTATAATCTCAC
AAAGAATGATCTTGTAAGGATCACTTGCGTTACTTGATGGGAGGCCAAATCAAATGTGCGAAAACGAAGTTCTT
TGTCGTTTTATTTCCAGAAAGGCCGGGTGCTCTAGAGAAGTTCTTAGATGCTTTGAGTCCTCGCTGGAACAT
TACTTTGTTTCATTATCAAAGCAAGGGTGAACTGGTGCAAATATATTAGTTGGGCTTCAGATTGAAAAAACCC
GACATGGGCGAATTCCATGAACGTGCTCGAAGGGTCGGATATGATTACGTTGTGGTAACTGATGATGGTATCT
TTCAGCTTCTGATGCATCATAGACCAACCCACAAGGCCATAGATCTCTTAAGTTGATCAAAATATCAACTTATT
ATCTTCTCCACGAAAGCGAGTAAACAAGCTACTCCAAAATCTTGACATTGTATTAGAGACATGGTGTATGGC
CCTCCGTACTTCAAAGGCTACCAAGTATCATCTTTACCTTGAAATTTTGAATGTGTTTGTAACTTAGTGT
TATCTCTACTTACATAATTAGGGGTGGGGGATCTTCAAATACTATCTCTCTTTGTGTTGATGTTGGAATAGCTC
TGTTTTATTTGTCCCCATTTAAA

>trans_s_1521 NM_126650|Arabidopsis thaliana VPS2.1 (VPS2.1) mRNA, complete cds

AGAAGGATTCGGAGAATCCTTTTCCACAACCCACCTTAAAGAAATTTTCATTCAATCAATTCATACACAAACCAA
AATTCATTGATCCGATCGTCCCTCTATTGAAATTTTGATTCATTCCTTTCACTTCGGATTTTTTTTTCTACAATTGC
ATCGCCCGCAATGAGTTTTCTTTCGGCAAGCGCAAGACTCCCGCCGAAGTTCTCCGGGAAAATAAGAGGATG
TTGGACAAATCGATCAGAGAAATCGATAGGGAGAGACAAGGTCTTCAAACACAAGAGAAGAACTCATTGCA
GAGATTAAGAAAAGTGCCAAGCAAGGGCAAATGGGAGCTGTGAAAGTGATGGCAAAGATCTAGTAAGGAC
CAGGCACCAGATTGAAAAATTCTACAAGCTTAAATCACAACCTTCAGGGTGTATCTTTAGAATTCAGACTTTGA
AATCAACTCAAGCAATGGGAGAAGCAATGAAAGGAGTGACAAAGGCAATGGGACAAATGAATCGACAGATG
AATTACCATCCCTGCAGAAGATTATGCAAGAATTTATGAAACAGAATGAAAAAATGGAAGTGTGACTGAAG
TGATGGAAGATGCCATTGATGATGCTTTGGAAGGAGATGAAGAAGAGGAAGAAACAGAAGAATTGGTCAGC
CAAGTTCTTGATGAGATAGGAATTGACATGAACCAAGAGCTCGTAAATGCACCGTCAACTGCTGTTGCTGCAC
CAGCGGCAAAGACGAAGTTGCACAAGCAGAAGCAACGGGGAATGATGATGGTGGAAATTGACAGCGATCTT
CAAGCCAGGCTAGACAATTTAAGGAGAATGTAAATGTAAGATCTTCATTTCTGTTTTATATCGATACCCCTCC
ACCTGACTACAGCTAGGAGAGACCATTTATGCCACTGCCATAGACCTAATGCCATGATTTCCAACCTTGTTTTG
GATATATGAAAGAAATGGGAATGATCGATGTCCAAGCATAACTTTCTGACTGTATATACATTATACATATATTG
GTTTTCTTTTATATGTTTACAACATGAAA

>trans_s_1522 BT010560|Arabidopsis thaliana At5g58020 gene, complete cds

TAACGTTTCGTCGCTGAGGCATTCGGCTTCCACCGTACGTCCGCTCGGTCTGCTCGGCTCCTCCATCAACTTGTA
AGTCTCAAAGTTCTCGTTCTCGTTCTGGTTTTGTTCGAAACCCTATTTATAGATTTGATCGTGATCGCGAAACTC
TACCCACTGAATTTCTGTCATCCTTTTTCGAATCTCGAAACCCTAAGTAATGCATCCGAAGAACCAACACCGTCTT
CAGATCTTCCTTCATTCTCCAGACCTCCAAATTCAATCCAAAATCGTAGACCTACCACAACTTCGGCCAAAACC
CTAGAGGACCTGAAGTTCTCTCTCTCTGAAACGCTCGCTTCACGGGTTGCATCATCTCTACTTTACCTC
AATGGGAAACCCCTTCTGGATTCCACTACGATTTCTCTAATTCCCCCTTTGTCCACCTTAATCTTAAGAACCAGG
GTCCTTGAGGTGGTGGCGATGGCGGTGCAACAGGGGCCGAGTCGCGTGACTGCTACCTTAATATGTACGCA
GAGAAGAAACCCGATAAGGTCGATCCTAACGAGCAGAGGCTGTCCAAGTGGTTGAATTGCGCTCTTTCTAAC
GAGCCTTTGAGTGAACCTTGTGTGATTGATTGGCTTGAAATGTCTTCAATAAGGAATCACTTGTGCAGGCTTT
GCTAGAGAAGAAGTTGCCAAAAGGATTCGGGCATATCAAGGGTCTGAAGGATATGATCAAGATAAATTTTTTC
GATGATTCCCGGTACAGAATCGCGTGGAATGCAATTCAGAGCCACGGTTCCAATGCCCAATTACTGGTCTT
GAGTTCAATGGTAAGTACAAGTTTTTTGCTCTGAGAACTTGTGGACATGTGTTGAGTGCAAAGGCCTTGAAA
GAGGTCAAATCTTCTCTGCCCTGTATGTCATACTGAGTTTACGGAAAGAGATAAATTTGTGATCAATGGGA
GCGAGGAGGAGGTAGAAGAAATGAGGGAGAGAATGGAGGAAGAGAAGTCGAAATCGAAATCGAAGGAGA
AGAAGACAAAGAAAGTGAGGAATGG

>trans_s_1523 FJ126751|Pinus taeda isolate 7735 anonymous locus CL1641Contig1_05 genomic sequence

ATGAATCGAAGTTTCATTTCTGGAATTGAGAAAACAATAGGAAGAAAAAGAAAAAAAAAAGATTCTGTAC
GGAAAGCTTTACCGTATCACTAAAAAAGAATCAGATAGCTTTATCAATTAGTTTGAGGAACAAATCCTTCAAA
ATTCTCTCCACATTTACACTCACAAACACACTTCTTCTTCTTCTTCTTCAATGGCCTTCAAATCATCCTCTGAA
GTTTTATCCACCAGTCATTCCACTGGTAATACTTCCAACAGCTTACACCATGGAAGAGAAATTGAAGCGCTACC
GACCCCTTTTCCCAACTTTGATTTGGGACCCGTTCCATCGCCTCTAGAAGTTGAAGCTGCAGTTGCTGCTTCA
GAGTTTGTTGCAGGAGTGGTTTTCACTGAATCGATGTCAAATGGCTTCAGCCGCTGATGAACTCCAGTTCTT
CAAGCATTTTGCATTCTCGTGGTTATCAATTACTTTGTAAAGTTTTCAATGGATACTAACAGATCCTACTTTCA
AGGGACTGGTAATTTCACTGTGTTTGGACAAAGATGTTTGAATGCTATTAGAAACCATGGGATTGTAGAGAA
GCTCCAGGAGTTACCTTCTTCAGGTGGAAATGGAAACACTGGGAGCTCAAAACAGGGACCTGACTTTGGTAA
TGTCATTCTAAGCTGGATTTTGCAAATATCACTCACAAAAATCAGGGAGCTAATAGAAAACTTTGTCTCCCTGT
TGAACAATGCATTTTGTCTTCTGGGAAAGAGAAGCTGAAGCCAGAGAAAAAAGATGAGATAGATGAAAAAA
TCCAATCATCATTGGTTCTGTCTTGGTCGTATGTTGATTGTGGTCGTTGCTCGAGTTCAGATTGCATAAAATT
GGTAGCTTTGACATCTTCTGACCACGGTTGTACTCATACTTCTATTTAAGCTAAATTGTGTAAAACCTCTTTGCT
TCTACTTGCAGTATAACTCTCATACAACTTTGTCAATTGTGAATCAACATTACAGTTGTACTTTTTCAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1524 AB294707|Hevea brasiliensis HbHDS mRNA for 4-hydroxy-3-methylbut-2-en-1-yl
diphosphate synthase, complete cds, note: HbEST_No.11262

CACAAAGCCCTTGCCTAATGCCATGGTTCTGGTCAATCTGAAGGAGTTATCCTCTGGAGCTCACAACTTTTAC
CAGACGGCACACGCTTGTTGTATCGGTACGAGGTGATGAATCATACAATGATCTGGATATCTTGAAAGAGA
CTGATACAACAATGCTTTTTCATGATTTACCATATTCAGAAGACAAAGTCAGCAGAGTGCATGCTGCAAGGAG
ATTATTCGAGTATTTATCAGAGAATGGTCTTACTTTCCCTGTGATTCATCACATTCAATTTCAAATGGTGTTC
CAGAGACGATTTGGTTATTGGTGCCGGTTCCAATGCGGGAGCCCTTTTGGTGGACGGCCTTGGAGATGGTGT
CCTATTAGAAGCCGCAGATAAAGACTTTGATTTATAAGGAATACGTCCTTCAATTTGCTACAAGGTTGCCGAA
TGAGGAACACAAAAACCGAGTATGTTTCATGCCCATCTTGTGGAAGAACATTGTTTGACCTTCAAGAAATAAG
CGCACAAATAAGAGAAAAGACATCACATCTTCTGGAGTTTCCATTGCAATTATGGGTTGCATTGTTAACGGTC
CTGGAGAGATGGCTGATGCTGATTTTGGATATGTTGGAGGTTCTCCTGGAAAGATCGATCTTTATGTGCGGAA
GACCGTCGTGAAGCGAGGAATCGCTATGGAGAATGCGACAGAGGCTCTAATCCAGCTAATAAAAGATAACGG
GCGGTGGGTGCAACCTCCTACAGAAGAGTGAGAAAGAGATGGGCATGAAAATCTGGTTTGGTTGGTAGGT
AGGGTAGGAGAAAAGAAAGAGGAGAGAAATGGGNATGAGGGTAGGAGACCACAGCAACACACACCTTTG
ATTTGTATTTGTGTTGGTTAAGTAGTGAAATATATTTGAAGAAAAAAGGGGTATGGAAATTGGGGTAATT
CATATGTCCATATTCCTCATTGCCAAGTGAAAAAGAATTCCTTCATAATTGGTATGTAACCTCTCTCTTTAACT
TCCCTCATCAATAATTATCACAGCTATAAT

>trans_s_1525 AY453393|Glycine max ribosomal protein S13 (RPS13) mRNA, complete cds

TAAGGGTATTTCCGCCTCTGCATTGCCCTACAAGAGGACGCCACCAAGTTGGCTCAAGATCTCTTCTACTGTT
ACTTGACCTGAGATTCCAGAGGATCTCTATCACTTAATCAAGAAAGCAGTTTCCATCCGTAAGCATTTGGAGA
GGAACAGGAAGGACAAAGACTCCAAGTTCAGATTGATTCTCGTGGAGAGCAGAATTCACAGACTTGCTCGTT
ACTATAAGAAAACCAAGAAGCTTCCACCAGTTTGGAAATACGAGTCAACGACTGCCAGCACCTGGTTGCTTA
ATTTTGATTTTGTGAGTATTTGGTGGCTATACGATTCAATCTGTGATCTGCTTCAGTCATTGTGAGGTCAGGTG
GATCAGTGAGAGTTGCAACTTGGTTTCTATTTATGGCATCAGTTTTGATTTTCAAGTTTTATTATCGGAATCTGTA
GACTTATTTGAACAGATTTAAAAGCAAATCAGAAAGCCTTAATGGTTCGTGTCCTCGTGCCGAATTCGGCACG

>trans_s_1526 NM_001056130|Oryza sativa Japonica Group Os03g0255500 (Os03g0255500)
mRNA, complete cds

>trans_s_1527 NM_001084779|Arabidopsis thaliana ATRAB8A; GTP binding (ATRA8A) mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_1528 NM_001049451|Oryza sativa Japonica Group Os01g0328500 (Os01g0328500)
mRNA, complete cds

AATTCCCCACGGCTGAAAAGTTCCACTCAAAGCCCTAAACCTCGCGAGAGAGAAACCTTCCGATTTCCGATGG
CTACCACCAACAACCTTCATGGCTCTGGTTGAGTTTTTCCACATAATATGTCAGATTCTGTGAATCAAGTGCTTA
TGGAATCAGCTAAAGAAGGATCTGCTCATATGAGTTCAGAGGGAAAGACTAATGACACGGAAATAAAAGCGC
GTGTTGATTCCATGTGGGAGCAAATGAACAAAGGGGTGTCTAGCAAAACACTAAAAGGTTTGTCAACCAAAC
GATCTCCAGCTGTGAATAAAAACTCAAAGAAGCCATCCAATAATTGGATGGCATATCTTGGTATGGCATCAAA
GAAGCCTCAGGAAAAAGATATATTATCAGAAGGATCCAGGGTTCTGCAGAACAGTTCTATTGATGATGCGAA
GATGCTTGCTGCTACTGCGCTCTCTGCTGTTAGGGATGCTACAGCTACCATCTCTGGCAGGGGGGAAAGTTGAG
ATCACAGAGATTAGGGACTTTGCAGGCCAAAATGTTGAAATTA AAAAGTTCTGTAGATGTGGATTCAAAAGAA
GCTCACGAGAAAATGAAGGCACCTGCTACTTCAGCTGTGATGTAGTCCTCGAACAAATCAAGAAGAAACAA
AAGCTTAGTGTTCTTGACAAGACAAAAAGGACTGGGGGGAGTTTAAGGAAGAAAACAAGGGTCTGGAAGA
GGACTTGGATGCTTACAAGAAGAGCTCGAATCAATATCTTGATAAAGTTTCTTTTTTGCAGCGAACCGATTACA
GGGAGTTCGAACGAGAGAGGGATGCACGATTGGCTTTGCAAGCCAGACGAAAGCCTGATATGCGAGAAGAG
CCATAATTAAAGTTATCATCAGAACTCTTTGAAAAATGTGCACTATTTTAAAGTTCTGAGAATTTTCTTG
CCCTAACCGGCGTCTGCTCTCAAAGTCTTGAACCTCCATCAGAAAGAATTCTATAGCGCAGTTGTTTTTCATTCT
TCTGTTGTGTATAGATAAATCTTTGAGCTTC

>trans_s_1529 NM_001125406|Arabidopsis thaliana RRP41; 3'-5'-exoribonuclease/ RNA binding
(RRP41) mRNA, complete cds

TACGATCTTTCTTAGAAACACAGTGATTGAGCCCCCTAACCCGAACTGACCTGTACCTTCGGGCGAAAAATTGCA
ACGTTCTGTTCCCAATGGAGTTTCTGACCCCCGAAGGACTTCGCCTAGACGGTCGCCGTCCCAGGGAGCTGA
GGGAAATGCGAGCGGAAATTGGGGCTGTTTCTAAAGCAAATGGGTCTGCTCTTTTGTAGATGGGTAACACCA
AAGTTCTTGCTGCTGTATATGGTCCAAGAGAGGTCCAGAATAGGAGTCAACAAATGAGCAACCAAGCACTGG
TGCGTTGTGAGTACCATGGCTAATTTCACTACTGGAGATCGCATGAGAAAGCCCAGGGGAGACAGGCGAT
CCACAGAGATATCTTTAGTTATTCGCCAGACAATGGAGGAATGCATTCTAACACATTTAATGCCTCGGTCTCAG
ATAGATATTTTGTCCAAGTTCTTCAAGCAGATGGAGGTACCAGATCAGCTTGCAATAATGCTGCAACTTTGGC
GCTTGCTGATGCTGGAATCCAATGCGTGATATTGTTACTTCCTGCAGTGCTGGATACCTTAATAGCAATGCTC
TGCTCGATTTGAATTATGTAGAGGATAGTGCTGGTGGCCCTGACGTCACTGTAGGCTTTCTACCTAAGTTGGA
TAAAGTTACTCTTCTACAGATGGACGCCAAATTACCTATTGATGTATTTGAGGATGTGATGGAACCTGCAATTG
AGGGCTGCAAAGCCATAGCTACTTACATTCGAAAAGTAATGTTGGATCATACGAAGCAACTCGAATATCATCG
CGATGGATAGCCAAAACTGTTTGTAGCACTTTACCCATAGGAAAGAGATTTCAATTGTTTAAAGGGATAAT
GAAGTTATTGATGCCTCTTTTCTCATCTCTCAGTTGTGAATTAATCTCTCTTACCCTAATCAATGTACAGAATGT
GTTTTCTCTTTCCCTTATATTTACCAAATTTTTTTCTCTTTAATTAGCATGATAGAAAGTTGAATCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1530 AJ580839|Nicotiana benthamiana mRNA for SUMO E2 conjugating enzyme SCE1
(sce1 gene)

ACATAATCTTGACAATTTTATGCTCCATTCTCCAATCTCAGCCGTACGTTTCATTCAAACCTCCAATTCTCCCCCA
CTGCGCCTTCCACTACCTTTTCTTTCTATTAAAGTGTCTCACAACTCACCTCCTCTCTGTTTCTGTCTGCG
GTAGGATCGCCGACTCCGATTTACATTTAGGGGTGCAAGATTTGTTCTGGGGTTTCTTTAATTTCTTTATAT
ATATACACACACAATCATGTCCGGGGGTATTGCACGCGGTCGTCTTGCGGAGGAGCGGAAGTCATGGCGAAA
GAATCATCCCCATGGTTTTGTTGCGAAACCGGAGACGATGCCTGATGGGACTGTGAATTTGATGATTTGGCAT
TGCATTATTCCTGGGAAAGTTGGGACAGACTGGGAGGGTGGTTTCTTCCCCCTTACACTCAATTTCAAGTGAGG

ACTACCCAAGTAAGCCACCAAAGTGTAGATTTCTCAGGGCTTCTTCCATCCTAACGTGTACCCATCAGGAACA
GTCTGTCTATCGATTCTCAATGAAGATAGTGGGTGGAGACCAGCCATAACAGTTAAACAAATTCTTGTTGGAA
TCCAGGATTTGCTGGATCAACCAACCCGGCTGATCCTGCTCAGACAGAGGGGTATCATCTCTTCATCCAGGA
TGCCGTTGAGTACAAGAAGAGGGTTCGCCAACAAGCCAAGCAGTATCCACCTTTGGTGTAAGCTGATTGGGT
CCCATTATACTTCTTGATACTATGATGATATTAGCAGCCAGTTGCCACTGATTGAATCAACATTTAAACTGACT
CGTTTTATAGATCGTTGGTATGTGGTGCACATTTCAATTGTCATGATAATCTCTGAACTTTAGTGTTCCAGGA
TATGGACCAACTTATGTGACATTTATATCGGTAGACATGTCAAGCCTGGTGTGATTGTGTTTCATATTGTGA
ACTTGTGGTTTCTTGCTCTAAAAAGTGTATGAAAGAAAAGGTTTTTCCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1531 FR682666|Carica papaya mRNA for tubby structurally-related protein (ORF1 gene)

ATTGGCACACAGATTATATATAGCATATACTGCACAGCTATCCAATTACTCGTCTTCGATATTACCAACCCAAA
ATCCCAACATCCCCTCGTTTCCTCATCTTAACTTAATTTTCTTCCCATCTCCAATCAAATTTATCCAATTAATGGCC
TATCCGCCGGCGTTTCAGCTACCCGCACAGACCGTGTCCGCCCCCTTGCCCAATCCCGTGGCGGTGTTAGGCC
CTCAGTTTATCGCTCCTTATCCCGTGGATCTGAGAATCACGAAGAAGCTGATGACCCTGGCGGAAGGTTCTTTC
GCGGTTACGGACATTAACGGCACCCCTGATGTTCAAGGTGAAAGGGTCGGTGTTTCAGCCTCCGCGATCGCCGC
GTTCTTCTTGACGCCGCTGGGAACCCCATAACTTTATGCAGAAGCTGATTTTCAGCGCATAGAACATGGTA
CGCGTATAGAGGGGAGAGCACGGATTACAAGATCTGTTATTCACGGTGAAGAAATCGTCGATTTTACAATTC
AAGACACAATTAGATGTGATATTAGCCACAAACAGCTCGGGTAGCGGGTGCATTTTAAAGATAAAAGGAAGC
CTGCTGGAGAGAGCTTGCATATTTATCTTGGGGATGGCTCCTTCGTCATCGCTCAGATGCACAAGGAACACA
CTTTACAGAGCATTGTGTTGGATAAGGACACGTTTGGAGTGCTGTTTATCCGAACGTGGATTTTGC GTTCATC
GTTGCACTTGTGGTCATTCTCTTCGAGATCAACGAGGACAGGAGCGGCGATGATTAGATGAAAACAACCACCC
CGGCCCTTTTATATATATATTATTATTATTGTTCTAATTTCCCATCTACTTCTACATTTGTGCACAATTAGACA
TGGAGCCTTGGTTATTTGTTTGACCTGCTTTTGGTGCTTCATGGGTGGGTTGTTAAAGCTACATGATTTTTTC
TCTCCTAATTCTGTGTTTCGTTATCAAAAAATATATATTCTTCTGTACATACCTTCGACAAAAAATATATGAAAC
TTTTTGTATTTT

>trans_s_1532 AF204676|Arabidopsis thaliana cultivar Columbia guanylate kinase (GK-2) mRNA,
complete cds

AGAGAAGGAATTGCGATTAACATCAGCTTAAGCATCCCGCAAGAAAACGAAAGCCGGTCTTGATCGCTGTTTC
CGAGAATTGAATGCGGCCAAAACCCACACCCCTTTTTCTCTCTATTTCTCTCTATTTTCTCAATCTCTCTTTTC
CCTACAAATACCAGAATGATCTTCAATCTTTCCTTGCGCCTCTCTCTCTCCCATTTTTTCGATTCTCCGTTTCTTC
CCATTCCATAGATTCCACCTACAATTTTCTTTAACCCCTTCAACAATCCGCCAACTGGGTTGTGCTTCTTCGACC
TTACAACACCCCTTTTTCTCAGAATTCTCTCCAGGGTAATCTAGAAGTTGGAGGATTAAATTTCTCCATGGGAGA
AGCCCCAGCTTTCTTCGCTCATGATTTGAAGGAGGGATTTCTGAATGGATTTCGGTTTAAATCCAAAGGTTGC
GAAACAGCCACTGTCATCGGCAATAAAACATATCTGGTTGATGGAGGTTGTGACGAATTGCTGTTGTCCTTTA
AAGTTCAAATATTTGATCATTCCCAAGGAACGCCGATCAATCCAGTTGTTTTGGGAACAATACCGAACTCATGT
AAAGGCCATTCGGCAATAGCTTTAAATGAAGATCGCATATTATTTATTAAGGGTGGATCCCCCTTAGATGACG
CTTTTTGGTTTCTTGAGGTGGATACCCCATATGTTCAAGAACAAAGAAAATCTTTGGGTTGTGAAGTTGTGCT
TGGAGTAAAGGTGTGAGAGGAACTGTTGAGAAGCCGGTCTGTTGTTAGTGGTCCTTCTGGAGTGGGCAAGGG
TACTCTTATATCAATGCTCATGAAAGAATTTCCAACCTATTTGGATTCTCTGTTAGTCACACAACCCGTGCTCC
GAGGAACATGGAGAAAGATGGCCTCCATTACCATTTTACAGAACGAAGTGTATGGAAAAGGACATAAAAGA
GGGGAAATTTCTTGAGTTTGCTTCAGTTCATGGAACCTCTATGGAAGTGTGAGGTCAGTTGAAGTGGTA
GCATATGCAGGAAAA

>trans_s_1533 AF047173|*Vernicia fordii* aquaporin mRNA, complete cds

AAAGAGTTCGTAAGGATCAAAAGATCAAGAAATATATATGGCGTGGTTCACCATTGGAAGCTTCAAGATTCC
TTGAGCTTGCGCTCTTTTAAGGCTTATCTTGCTGAGTTCATCTCCACCTTACTCTTCGTTTTCGCCGGTGTCCGGT
CCGCCATTGCATATAATAAAATAACATCATCTGGAGCTTTAGATCCAGCAGGGCTGGTTGGGGTGGCAGTTTG
CCATGGATTTGCTCTGTTTGTTGCGGTCTCCATCGGAGCTAACATCTCCGGTGGCCACGTGAACCCAGCGGTG
ACATTCGGGCTTCTTCTTGAGATCAAATCAGCCTAATTACCACCATTTTCTACTGGATTGCTCAGCTTCTTGGC
TCCATTGTCGCCTGCTACCTTCTCAAATATGTCAGTGGCGGCCTCGCGGTTCCGGTCCACAGCGTCGCCGCCGG
CATCGGAGCGGCGGAAGGGGTAGTGACGGAGATTGTCACCACCTTCGGTTTGGTTTACACTGTCTATGCGAC
GGCGGCAGACCCAAAGAAGGGATCTTTGGGCACAATTGCGCCGATTGCCATTGGTTTAATCGTCGGAGCAAA
CATCTTGGCAGCCGGACCGTTTTCCGGTGGATCGATGAACCCGGCCCGATCTTTCGGCCCCGGCGGTTGTCAGT
GGCGACTTTCACGATAACTGGATTACTGGGTTGGGCCGCTCGTTGGCGGTGGCTTACCTGGGCTTATCTACT
TTTACGCCTTTATGGCTTATGGGCCAGCCCAATTCCAAACGATTTCTAAGGCCCAATCAAATTAACCCATTTT
ATTCTCCTTTTGCTCTGTTCCCTTTGCAATAAGAGGAGGAAAAGCAAGTTTTTTTGCCTTTCTTCTTTCCATTTT
CTCCCTTTTGGTGTTTGTGTTAATGTCTTTAATTTATTTGAATGCATGGTTTGGTTTATTGGATTCTTCTTCA
TTCTATTTCAATGTAATAACTCATTTATTGTGTAATGTTTATATTATCTATTAATTCTAACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1534 NM_001069007|*Oryza sativa* Japonica Group Os08g0556000 (Os08g0556000)
mRNA, complete cds

CAATTTTGTGGTGTAGCTGAAATGGTCGGACCCGTTGACTTCGAGAAAAATGCAGATTACTGGCAGCAGGAT
AGGTGGAGTGGACAATTTCTGTTAAGTGGCATATCATCAAAGATGTTCTAATATTAGATTTCCGCATGTTTT
ACTTGAAAATAATGACAACAAACCTGTTACGCACAGCAGGGATTCTCAGGAGGTGCCACTGAAACAAGGTATT
GAGATGTTGAAAATTTCAAGGACCATGATCCTCGAACATCAATTATAGATGATTTTGATTTCTATGATGAGCG
GGAGAGGATTTTGAAAGAACGGAAAACAAGACAGCAGCTATTTGCAACTGCAAATTCTCTAAATTCACCTGGT
GATGGCTCCATTAGCCCAATCTCTGATCAGTTTGCTCAATCCCTTCGACTTGAAGATAATAAAGAAAGAAAA
ACCAGAAATGGAAAAGGGTGCAACGTCTAGAATAGATGCTTCAGTTTCACTTGATGATCCGGTAAAGTAAAG
TTCTGAGGCTTTTTTTTTGAGTCTTGAAGTTGAGAGACTAAGTATTAAGAATGTCCAAGCATCTGAAGGTGGAT
ACGGTTAGCAATTCGGTTAGATTGGACTTCTTTGATTCTTCAAGCATTTAGATGAACGAGTTTGATAGGTATT
TCACATCATGAGACACCCCTTGAGCTGATTTTCTGTTCTCCAATAGATGATAACACCTGAGGCAGTATTTTGG
AAATCTATAGCAGTGAAGATGATATCTGACGCTTTTTTTTACCATTTTTTCATGTTCAATTGCCCAAAGCAGCTG
GAGGAAAATTGACTTGCACTTGGCAAGAAGCTTTTTCTGATTAAATATTGCTTAATTTGCATTGAATTTTCATT
TCCTCTGGAGGGTGTTGATGGCATTCTCGAGTGGAAGGATTTTGCTGAAGGGGGCTGGATTAGTTGGGGTG
GGGTTTTACGTAGCAAGTGTGCAATAGAATATGTTTGCATTTCTTATCGATAGCCAGTTTCTGGGTATTTATG
AAGTTGCCCATTTTGTGAA

>trans_s_1535 AB073629|*Bruguiera sexangula* bsef-1A mRNA for eukaryotic elongation factor 1A,
complete cds

CCTTTCAACAACCCTTCTTGAGGCCCTCGACCTGATCCAAGAGCCCAAGAGACCGTCTGACAAACCCCTTCGTC
TCCACTTCAGGATGTCTACAAGATTGGAGGTATTGGAAGTGTCCAGTGGGTCGTGTTGAAACTGGCATTAT
AAAACCTGGTATGGTGGTAACCTTGTCTCAACTGGACTGACTACTGAAGTTAAGTCTGTGGAGATGCACCAT
GAAGCTCTCCAAGAAGCTCTCCCTGGTGACAACGTGGGGTTCAACGTGAAGAATGTTGCCGTGAAGGATCTC
AAGCGTGGTTATGTTGCCTCAAATCCAAGGATGATCCCCCTCAGGAAGCTGCCAATTTCACTTCCCAAGTTAT
CATCATGAACCATCCAGGACAGATTGGAAATGGTTATGCACCTGTCCTCGATTGCCACACATCTCACATTGCTG
TCAAATTTGCCGAGATTTTAACCAAGATTGACAGGCGATCTGGTAAAGAACTCGAGAAAGAGCCCAAGTTTCT

>trans_s_1536 EU106046|Nicotiana benthamiana chloroplast-localized protein (28C12) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

>trans_s_1537_AF112440|Pisum sativum ribosomal protein S26 (RPS26) mRNA, complete cds

```
>trans s 1538 AY074575|Arabidopsis thaliana
```

CTTTTTTCGTCTATGCATCATGCAAAAAATTGTGGAACATATTTTCGTGGCCCTGTGAACCCGATTGTTCCCAA
CTGGTACCACCTTCCAATTGCATATCATGGACGTGCATCATCTATTGTCATCTCCGGGACAGAAATTGTTGAC
CCCGTGGCCAGAGTAGACCAGTCGGAGACTCTCCACCACCTTTTGGCCCTTCTGCTAAGTTGGATTATGAGCT
GGAAATGGCTGCTGTTGTTGGTACTGGAAATCTGTTGGGAAAGCCTGTAGACATAAATGAAGCAGAAGATCA
TATTTTTGGCCTGGTGCTGATGAATGATTGGAGTGCTAGAGATATTCAGGCATGGGAATATGTTCTCTAGGA
CCCTTTCTTGGGAAGAGTTTTGGTACTACTATATCCCCATGGATTGTTACACTAGAAGCCTTAGAGCCTTTCAA
ATGTGATGCTCCAAAGCAGGACCCAGCTCCATTGCCATATCTCACCGAAAAGGAATCCAAGAACTATGACATC
TACTAGAGGTTTGAATTCGACCTGATGGTGAAAGCGATGCACACATTGTGTCAAAAAGTAATTTTAAGCATT
TATATTGGACGCTGCCTCAACAGCTCGCACACCATACTGGAAATGGCTGCAACTGCAGCCAGGTGATCTCTT
GGGCACTGGCACCATAAGTGGACCTGAACCAGAATCTCTTGGGTGCTTGCTGGAATTAACATGGAATGGGGA
AAAACCATTTGGAGTTAAACAAATGGGATACAACGTAAATTTCTTGAAGATGGAGATGAAGTTGTTTTACTGGT
CAATGCAAGGGAGATGGTTACACCGTTGGGTTTGGGACATGCGCCGGAAAGATTTTACCTTCACCTCAAGAA
ACAAATTTGATTCCATTACGAGTCTTAGATCTCTGAATGTTTAGATTTTTTTTTCTTCTTTCTTGTAAATAAAATT
TGTATAAAGGCTGTAGCAAGCGGAATCAACTGATCATGATTGAATGAATATTACTTTTGCCGTTCTTCGGGT
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1539 NM_001069008|Oryza sativa Japonica Group Os08g0556200 (Os08g0556200)
mRNA, complete cds

ATTCATTCTCGTTCTGCGTGCGACCTCATCTCTCTCACTTATCTTCTTCTCCTTCACGATACCTATCCGCCGCC
CTACAGTCTTGTCCCCGTTACCTCCCACCATCGTCCCCGCCGTGAGCTTCTTCTTCTCCGTGCACCGTCCGAAG
AAACCTAGAGGAGTCCGAGCCGCATCCAGCGAAGCCTTCTGCTGGTTGCGAGCCGGTGTTCCTCCATCCACC
GTCTGTGTCTCTGTCCGTGCAACTCCAAGCGCAGCCGCTCGCCGTCTGACCCATTTAAGCTCTTTGGTGCTA
TTGGAGGAGTAGCACTTGAGTTCTGGAGTTTTGGAGTGGGGTTAAGTCTCTAGTGATTGGTGGTTATATGG
CTGATGATAAAGTTGACATTATTAGGCCCTTAGTAGAAGCAAGTACAAACAGTTTTAAGATAGAAAAAGCGGA
TAGACTCATATTAAGGGGTTTTAAAGTGTACGGTTATCATGGAGTACATCTTCAAGAAAAGGAAACGGGACA
AACTTTTTTGGTGGATGTGGATGCTTGGTTGGATCTCCGGGCAGCTGGAAAATCTGACGACTTGAGTGATACT
GTAAGCTACACAGCAATTTATCGCATAGCAAAGGAAGTTATGACTGGACCATCACATGATCTTCTGGAATCAA
CTGCGGAGGAAATTTCTCAAAAATTATGATTCAATACGACCGAGTAAGTGCAGTTAGAGTAAAAGTTGCTAA
GCCGGATGGTTGTTGTTGGTGGGCCCATTGACTACGTAGGTGTTGAAATTTTTAGAAGTAGAGATAGAGATAT
GTCAATTTAACGATCTGGGTGGTTCAAGCTATTGCTGTACTTGCTTAATGTTTTGAAAAAGCATGTGTAAAAA
TTGACATAACGTTAGTTTGTATCTTTTAGCTCTTGATGTCTGGAAGTATTTTAAAATTGGGGTCTTTATTACC
TAAAAGAAGATTTGTAATAAATTATCATTGATCATTGAACCTTACAATAGGTTTTGCCTAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1540 XM_002892268|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleotide binding protein, mRNA

ACGATTTTTCTCTCTCGTCCCTCCCGATTCTGCTCTCCCTTCACCGCCAATATCGAAGTTTTTCAGCGTCGATCACC
CCTTTCTCCGCCGTGTCATAGTTGTTGATCTCCCTCCGTGAGTGAAGATGCGCATAATCTAGGCCAGAACT
CACGGATACCAAAATGATCTGAATGCTTGTTGTTCTTCATGATCTCTTATTAGAGATGGGATCGGCGAAGGAT
GAGCAATTTTCCATGTTTGAGGAGAAGGTAAACGGACTGTGTATGTTGATAATCTCTCTCCTCAAGTAACTG
AGCCTGTTTTGAGAACTGCTTAGATCAGTTTGGGACTGTGGTCAATGTCCATTTTATTCCAAATTACACGGAG
CCAATTAATAGCTCTCAATGTGCTCTAGTGGAGATGAAGGATTCGAAGGAGGCGAAATCTGTGATCGCCGTTA
TAGCTCAATTCCTTTTATGATGTCTGGAATGCCGAGACCGGTGAAGGCTCGCCCTGCCGAAGCAGAAATGTT
TGATGATCGTCTGTAAAGCCTGGTAGGAAGATTAGCTTTAGATGGCTGGAAAGTATGATGATCTGATTTTGAA
GTGGCCAGACAAATCAAGCGTCTTACGAAGAAACATGTGGCTGAAGCTGCATTTTTGCTCAAGCAACATTTGG

CGGAAGAGGAAAAGCTTGCAAAGCAGCAACAAGAAACGCTGAGAGGAACTACAAGAAATATGAGATTGTA
GATAGTGTAAATGGCCGATGGAAGTGGCCGAGGTTAGCAAAAAATTATAATATGCGAGTTTCAGATGATTAAT
GCCTTTGAAGCCTTGCTTTTGTAACCTCTTAATGCCACTGATTTTTACCTGTAAATTTGTACAAATTGTCATTTAT
ATGGCTGAATAGAGATGAATTAGAGACTTCTTTGTGATTTAGATTTTAGAGGGAGAAAAACAAATATTTAGT
ATACTACTCTAACACACTCTTGGCATTGTGTTTAAAAGGAAAACATTGTATTTTCCCCCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1541 AY059938|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T16K5.7) mRNA, complete cds

ACACACAATAATAATACCCAAAATTTAATTTTCAGATCCAAGATCTGGACTTTCACACGCTAAGTGCTGCTAC
TTTCTTTATTGCTTCTGTAATGATTGAGAATCATATTCTTTGATCTATTAATCATGCAACGGAGGCAACCTAC
TTCCACGCGTCGCAATGGAAGCTTTCATTGCTGGGGCCCTGAATGCGAAATCAAATCATCACCTTGTTAT
CTATATGCTTGGTCCTTGTTGGGAGCAGTCTTCTACTTGTCTATGCTTTTAGTGACCAGGTTTATTTGGAGGC
ACCAAGATAGTCAGCAAGATTGAAGGTGATTTTCATGCACATTGGAGTTGCAAAGAGCAATAACCATCTTAA
AGAAAGCATTGCGCAATAGCATGCGCAAAGTTTGCATGTAGGTCCCGATACCTGCTCTGTGGTATCTAAGCT
ATTGAAAGAAGGTGAAACAGAAGCATGGGGCATAGAACCATATGACATAGAAGATGCTGATGGAACTGCA
AATCACTTGTGAACAAAGGCATTGTACGTGTTGAGATATCAAATTCCTCTACCCTATAGGGCAAAGTCATT
TCCCACGTTATTGTGTCAGATGCATTGGATTATCTATCCCCCAAATACCTGAACAAAACCTTCCAGAATTCGCA
AGGGTTTCTTCTGATGGTCTTGTTATATTTACCGGTTCCCCTGGTCAGCAGAAAGCAAAAGTAAACGAGTTATC
AAAGTTTGGACGACCGGCCAAAATGCGAAGCTCGTCTTGGTGGATTGATTTTTGTCCAAACAAGCTTAGAA
GAAGACGAAGCTGCTGCCAAGAAATTTAAGCAAGCAGCATCCAAGCAGTCTTACAAGCCCGGCTGCCAAGTT
TTCCATCTCAATTCATACCATTGATATCATGAAATCAAAGATATGAAATCTTTTCTTACCCTCATTTTTTGGTC
TCCTTTTCGTCTCATTCTTATNGTATTAACAAACATAAGAGAAGCTAGGGAGGTGGAGAATCCGCAGTTGATG
TACGCTTTTGTGTTT

>trans_s_1542 AB107689|Nicotiana tabacum AGP1 mRNA for AG-motif binding protein-1, complete cds

TGCACGCAGCAAACGCCCTCGCCCTGCAACCTTCAATCCCCGGCCCCCAATTCAGCTTATTTCCCCTGCTTCCTC
TGTCACCGAAACAACCACCCCTGATCAAACATTGCAGCTTGTTCCAAAGGCCCCATCAGACACCGAGAACTTC
GCCGAGTCCCGGCCTTCGGTCAAATTGCCAAAGCATGGTGTCTGCTGCCTCAGCAACACAGAAGATTAAGAAC
AAGAAAATCAAGTTGTCTTTTTCGCTTGCCCCCATTAGAGGCAGGAGCGGGAAACCAAACTTGCCATCGT
CGCAATCGGTAAGAAAATGTATGCATTGTGAGATAACCAAACTCCACAATGGCGGGCAGGACCAATGGGGC
CAAAAACGCTTTGCAATGCCTGTGGTGTTCGGTATAAGTCTGGTAGACTCTTCCCGAGTACCGACCAGCAGC
GAGTCCAACGTTTCATACCATTGCACTCGAATCCCACAAAAGGTGCTTGAAATGAGAAACAAGACTGAC
GAGAATACAGCTGCAATCACCATAAGCGTGCAACCGGAGCTGATTCAAACCCAAACAGCGCAATTTCAATGG
ATTACATGTGAAGAAGAAGAAAGAAGGTTGATGTGTGTGTGGTTGGTTTGTGTTTAGTATGAAATAGTTCTTA
GGTGGTTGTCTTTCTTGACAGGGGAAGGTGGGGGCAACTTGGGAAAGGTTTTAGGTTTTTTTTTATTTTATT
TTTAATTAGATGAGAAAGTAGTTGAGGAAGAAGAAAAACAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAACTGATCGTAT
GGACTTAAGAGACATCAAACTTTTAAGCTTAGGTGAAGTTTTAGTGTTGTTTTAGGTGCTCATTTGTCCGTCA
TCGTATGTTGCCTCTCTTCTCTCTTTGCATTCTTTTTCATTTCTTGGTAATTCTTTTGCAGTTCAATTTGTAG
TCATCATCAAAATTCTGAGCTTTTAAGTAATGAAATTTAGGTTATTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1543 AY042895|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g35790) mRNA, complete cds

AGTTTGGAAGTAGAGCAAGGGAAGAGTTTTGCTTCTGGAGAATGACGAGGGCCGCTCTCTCCATTTGCTAC
GATCACAATCCAAACATATCTCGCAAGAAATTACTATTAGGTTATCATCTCCAACGATCAACAGCATGGATC
AATGAAAAATTTGTACCCACTAGCAACTTTCTTCGCAGAAAAATGCAGTCCAGAAGAGATGGGCATCTCAAG
CTCCAACAAGAGAAGATGATGGCAAGATCAGCATTGGACCTGAAAGAGGATCCGAGGAAGATGAAAAAGAT
GTTGCTTATATTGGGCCAATCTCGTCGACCATCAAGAAAGTCAAGCTTCTATCTTTATCTACATGCTGCCTCTCT
GTATCACTCGGACCAGTCATAACCTTCATGACGTCCCCTGACATGAATGTGATTCTGAAAGGTGTTGTTGCATC
ATCTGTGATATTCTCAGTGCTACTACTACTGGAGCACTTCACTGGTTCGTGAGCCCTTATGTTCAAAAATTAG
ATGGAAACCAGGTTTCAAGACAGTTTTGAGGTTGAGGTTATGTCGTGGCTGGCAACTTACATTCCACGAACCATT
CGATTTGCTGATATTCGACCACCCGAAACAAACCGTCCCTTTGTGACCTTCAAGGCTAATGGGAACTTCTACTT
TGAGACAAAAGAGCACTGTCATAATAAGGCACTCTTAGCCAGACTGACTCCTCAGCAACGTGAATCGGCTTTT
AGAAACTTATGATTGTCTTGGAGATTTTTCTTTTCTTCATTGAGTTGAAGGCCAATGAGATGGCTGAACTGTT
GTCATAAATCATGTATACTTTACCATAGACAAATTGCTGCTCATTGTACCGTTTATAGTCAATTTTGGCAGAATA
TGGTCTTTTTTAAACACAATTCATGTGTACAACCTTTGATAACTGATAGATGATAGAACCATATATTACGTGGTT
TGGAATTTTAAAAATAGTTTCTATTAACATTTTCCTTATGTATTTTGAAAAGATACTCATATAGTATAACCTTCA
TAAATTTTTTT

>trans_s_1544 AJ308489|Medicago truncatula mRNA for allene oxide cyclase (aoc gene)

TTTTTTTTTCTTGTTCTTCACCGATTTCTCTCTGCTGACTTTGGTTTGAAGCTCTCAGCCACCTCCATTAATGGC
GTCCTTCTTCAGTTCTTGACATCAATTTCTCCCTGAAAAATACCCACCTCTCCTCTGTCTCTCAAACCCAACT
CTTTTGCTTTTAATCTCTCACTATCACAATCTCTCTCTTCTCCGACATTACGATCTTCATCATCCGTCTCAATTAC
CTCCAACAACCTCCACAATCACATCACTTCTCTTCAAAAAATCCAAACCCAACTCAGATCCTCCCAAATCCGCAAA
AGTACAGGAACTGTTCTGTACGAGATAAACGAGCGAGACAGGGGAAGCCCAGCATTCCTAAAACTAAGCAA
GAAGGCTGAGAATTCAGTGGGGGATTTGGTTCCATTACAGCAACAAGCTCTACTCCGGCGACCTTCAGAAGCG
GCTGGGCATAACGGCCGGCCTCTGCGTCTAATTACAGCATTTGCCGGAAAAGAAAGGGGACCGCTACGAGGC
CATCTACAGCTTCTACTTCGGCGATTACGGCCACATAGCCGTCCAAGGTGCCTACTTGACTTATCAAGACACCT
ACTTAGCCGTACCCGGCGGCAGTGGCATCTTTGAAGGCGTTTCCGGCCAGGTCAAGTTGCAGCAGATCGTTTT
CCCTTTTAAGCTGTTTTACACCTTTTATTTGAAGGGGATTGCGGGTTTGCCGGCTGAGTTGTTGGGGAAAGCCTG
TTCCGCCGTCTCCACCGTCGAGCCGGCTCCTGCGGCCAAGGCTTGACTCTTCCCCGCTATTTCTAACTTTA
CCGATTGAGGCTTTTAATCCGAAATGCAGGTTTTAAATAATATATAGTTGGTTGTTTAGTTTAAATTTGGTTTT
TGAGAAAGCTAGCGTTAAACGATGTAATATGAAGAGAAGTTTGTGTTTTGTAATAGTTTCTTTTCTTTTCC
GGATTTACTTAGTGAAAAATTTGTTGATAAAAAATTGTATGGAAAGTATATTAATATTTTAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1545 AJ401228|Medicago sativa mRNA for selenium binding protein (sbp gene)

ATGGACCCGGCTACGCTACTCCTCTTGAAGCCATGTCCGGCCCCAGAGAGACTCTGATCTACGTCACTGCCGTT
TATTCGGTACTGGGAGAAACAAGCCTGATTATCTAGCTACGGTGGATGTTGATCCTAATTCTCCTAATTATTC
TAAAGTTATCCATCGATTGTCTTTACCGTACCTTGGGGATGAATTACATCATTCTGGGTGGAATTCATGCAGCT
CTTGCCATGGAGATCCTTCTGCAGATCGACGTTTTTTGATCCTTCCGTCGCTTTTATCGGGTCGCATATATGTGA
TTGACACAAAAACAAATCCCACTGCTCCATCTTTGCACAAGGTTGTTGAACCTGAAGACATCATACAGAAAAC
GGATTAGTTTCCACACACGTCTCACTGCCTCGCTTCTGGAGATATAATGGTGTGCTGCTTGGGAGATAAAG
ATGGAAATGCACAAGGAAATGGGTTTCTTCTCCTCGATTGAGAATTAATGTCAAGGGAAGGTGGGAAAAAC
CAGGGAATAGTCCCCTGTTTGGATATGACTTTTGGTACCAACCACGGCATAAGACAATGATTAGTTCATCATG
GGGTGCTCCTTCTGCTTTCAAAAAGGCTTCAACCTTCAACATGTTGCTGATGGTCTCTACGGGAGGCATCTTC
ATGTGTATAGTTGGCCCGATGGTGAATTGAAACAAACATTGGACCTTGAGACACTGGACTTCTACCTTGGGA

AACAAGATTCTTGACGATCCTTCCAAAGATACAGGTTATGTTGGTTGTGCATTAACAAGTAACATGGTGCGG
TTTTACAAGAATCAAGACGATACGTGGAGTCATGAGGTTTCCATTTAGTAAAAGCATTGAAGGTTCAAAATT
GGATACTTCTGAAATGCCTGGTCTCATTACTGACTTTCTGATCTCACTCGATGATCGCTTTCTGTACTTTGTTA
ACTGGCTACATGGAGATGTGAGACAGTACAACATTGAGGATCCTAAAAGTCCTAAGTTAGTGGGTCAAGTGT
GGTTGGTGGACTGAT

>trans_s_1546 NM_106387|Arabidopsis thaliana AAP3; amino acid transmembrane transporter
(AAP3) mRNA, complete cds

GGCCGGTGATGTGATTTATGGAGGAGCTTCCAAGCTCTTGGAGACATTGCTTTTGCCTACTCATACTCGATTAT
CCTCATTGAAATTCAGGACACTGTAAAATCTCCACCTTCAGAGGCTAAGACAATGAAGAAGGCAACTCTAGTG
AGTGTGTCGGTGACAACGCTTTTTTATATGTTGTGTGGTGCTGGCTACGCCGCATTGCGGGGACATGGCAC
CGGGAAACCTACTCACTGGGTTGCGGTTCTATAATCCTTATTGGCTCCTTGATATTGCCAATGCTGCCATTGTC
ATCCACCTTGTTGGTGCTTACCAAGTGTATTGCCAACCCCTCTTGCCTTTGTGGAAAAGTATGCTGCTGAGAA
GAGTCTGATAGTGAATTCATCACCAGATATTGATGTTCCGATCCCCGGTTTCCGCCCTATAAACTCAACC
TATTCCGGTTGGTTTGGAGGACGGCTGGGCTGGGAGTTGCAACTGTGATCTCGATGCTTCTCCATTCTTCAAT
GACGTCGTTGGATTCTTGGAGCTCTAGGATTTTGGCCTCTACCGTGTACTACCCGGTCGAGATGTACATTGC
CCAAAAGAAGATACCAAAGTGGAGTTCGAGATGGTTGTGCTTGCAAACCTTAAGTTTTGCCTGTCTCATGATC
TCGATAGCAGCTGCGGCCGGATCAGTTGCCGGGGTGTCTAGATTTAAAGAGCTACAAACCCCTTCAAGACAA
GTTTTGATTCTCATAGATTTGTCTTTGTGTATGGGAAGTCAAGATGAATTAAATGGAAGGGGTTGGTCAAAA
TGACATTTTAAATTCAAGTTCTTCTTAAAGAAAAAGGCTTCAAACACATTGAAGCTCTCTTCTGTAGTTAAT
TTTTACTGTTTCCCAAGAAAATAGATGAAATCGTGAATGTAAATGTTTTAAATTATCACATTTCAACTTTGTA
CCCTCTATTTCTCATTGAAACAGAATTATATATGAAACATTTACCCCAATAAGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_1547 XM_002886039|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At2g16900/F12A24.8, mRNA

AGCATTGAAAAATGCCAAAAAAATTCAACTTTTTAATTTCTTTTTGGTGTTCACCTAATTAGTCAATCTTTCA
ACGTCGTCCAAGAAAACCCATTAATGGCAGCGTTAGAATATAGTGGCCACTCCAACCTTACCTTTCATATGAA
AAATCTCTTCCATTGAGAGAAAGAGAGAGAGCAAATCCTTCAATCAAAGCCAAGCTCGATTTCAAGTGAGATT
TTAGCAAAGGGGATGGCTGAAAGGAGAAAAAGTTTCGCCAGATTGTATTTATGCTTCAAATCCGTTTCATGAAT
GCACTGAATATTGCATTAGAAAAACAGCTGAAAGCAAGGCAGGAAAGGATAAAAAGTCTAAAGGATCTTTTA
GGCTTGATATTTCAAATCTTTTGAAGGAAGAAGGGTCCCGACCAAAGCCTCCAAAAGAAGTTGATGGTG
GACGGTACTCAAGCACAGTTCTTAACGAAGTGCACTCACTCACTCACGCACAGTTCTATCGAAGCACAGTC
ACTCAACTCACGTATCTCTTCTAAGAAGAATGTAGAATCAATAAATGGTGGTCATATATCCCTGCCAAAAGAT
TTTATTCAGAAGAAATTCATCCTGAAGAATCTAGTCTTACTGTCGAGCAATATGATACGCCTCGAATTCCTCA
ACCGATAGTTTCATAATGCCTGAGTATTCAGAGGATGCACCAAAGCAGGGTTCCATTCCGATGCTCGAACAGA
TGACAAATAATAAGAATGGGGTGGGAATCATGAAACTTTTTTGAAGAATCGTACACTCAATGTCAACAACGG
TAAAGAAAGATTCGAAGGCAATCTAGTGAATCTAGCTTTAGCTTGTCTGGGTTTGAGCAAACCTCTGGTAGAC
AGTGACGAGGGGGAGATTGAATCTGTAAATTCTGAGCAGTGTGTTCTGTTGGGAAAGTACCATGTAAAATC
CAGCTTTTCTTCATTCTGACATCGATCTTCGAAAAGTACGGGGATATTGCAGCTACCTGTAAATTGGAATCAG
TTTCATGCGCTCATACTA

>trans_s_1548 BT029381|Arabidopsis thaliana At1g75980 mRNA, complete cds

AAGTGACGAAAATTCGCTCGATTTGCTCCACCGAAGTGACGCAACAAAAGCGATTTGCGACGGAAACTTG
GAATTTTCTGATTCTCCTACGGTTGGCTTCGATTATCTCCACTAATGGAGCACGGAGATACCAATAACGATGT

TCACGTTACTGTTCAAAGTTCTTCACCACCACCACTGCCGCCGCTGGAGAAGCAGGAACTACAACAACTGGCA
GAACCACTGCCGAAATCATTCCAAGAAGATGAACAAGATGAAGAGCTACGTAAACTTCTGACTCCCGATGTTA
GGGATCTTCCGCTCGTTCCCTCCCTCCGCCGTCGAGACCAATTCGTCTCGTATTTTCGCTCCCGATTTTATCAAGG
AAGGTCATGATCAGTACGTTTACCGCCACGCAAACGGCTTGTGTGTGATCGGCTTGGCTGCTACGCATATTGC
ATTTAAAGACGGTGGCGGGGTACGGCCGTTGATTTCAATGTAGGGAAATCCGATCGCAGCAGCTTTAAAGT
CACTGGAAAACGCAAGAAGAATGCACAATTCTTTGAGCCCAATTCTGCTCTATGTAAAGTCTACACCAAAGAT
GCTTCTTATATTGTGAGGTGTTCTGTTAAAGGTTCTCTATTGGAAGTAAATGATCGATTAATAAAGCAGCCAGA
GTTGCTCAACACTGTGCCTCACAGAGAAGGGTACATTGCTATTGTTATGCCAAAAGCAGCAGACTGGTTGAAA
GTCAAGGAGTCATTGCTGAGCCTTGAAGAATACAAAAGATTGAGAGAGCTCAACTAAATCATTCTTCCGCTGA
CAGAAACCAAGTAATTTTATAGATTTCTTCATTGATGCTTCCTCAATCTGTTTTTAACTGCCAGGTTTATCTCG
CAGCATAGTTTAACCGAATGCCTGAGTGATAATAATTCACCTAGTTCTTGTAAGTTTGAGAACATACACACACA
CACATACACACACACTTACCTTGCCTGGCATTGTGATTTGTTAGAAGTTTCTGAGTATAGGAGTCTAATATTA
GTTCGAACTTTTCAGT

>trans_s_1549 GU189405 | Phaseolus vulgaris cultivar G19833 SPX domain-containing protein 2
(SPX2) mRNA, complete cds

CACGAAATTCGGTAAGAGTCTCAGCAACCAGATCGAAGAGACCTTGCCCGAATGGCGGGACAAATTCCTCTCC
TACAAACATCTCAAGAAGAAGCTCAAACTTTTACAGCCTAACTCCGCCACATTAACAACCCCCCTTCCAAGAA
GCCCAAGCTCGACTCCCATGCCGATTCTATATCTAATGAAGTCTTTGATTTTGTACTCTCTTGAAAAGGAGC
TCGACAAATTCATTCCTTCTCGTTGAGAAGGAAGAGGAGTACATAATCAGATTGAAGGAGTTACAAGATAG
AGTAGCTAAAGCAAAAGATTTTGATGAAGAGTTGATACAAATTCGGAAAGAGATTGTTGACTTCCATGGCGA
GATGGTTTTGTTGGAGAATTACAGTGCTCTTAACCTATACAGGGCTAGCTAAATCCTCAAAAAGTATGACAAA
AGAAGTGGTGCCTTATTCGCCTACCTTTATACAGAAGTCTACAACAACCTTCTTCACCACAGACCTACTC
TATAAGCTTGTCAAAGAGTGCGAGGCAATGCTCGACCGCTCTTCCCTGCAAATGAACAGCCTACATTGGCCG
AGGCAGCTTGAAGGCAATGAGGAATGTGCTCCTAGAGCATCTTCTACCGCCACCCCGAACAATGATGGGATTT
CTTGGAATGCCTAAGGAAGTTCAGAGATTTGAGCACATGGAGAGCGTGTATATGAAGAGCACGCTATCAGC
ATTACGAGTTCTGAAAGAAATTCGAAGTGGAAAGCTCGACTGTCAATGAATTTTCATTGCCACCATTACAGATA
AATGGTCTAGAGGGAACATGGAAAAATGTTCCGGTGCTTGAACAGGAAGCCATAGCTAAGTAGTGTTGGTT
TTTAGAAGATAACATCACTTTATTCCATTACTTTTATGACAACATCTTGTAAGAATGAATTAGGTACCAAAAATT
TAAACATGTAAATCTTAAATATAAATCTAAAAGATGTAGCAGCTAGAAAGCCAATGTTTTTTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1550 XM_002884695 | Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipin family protein, mRNA

TGGGAAGGATTGGACACAATCTGGCGTGGCTAGACTTTTTACCGCAATTAAGGAGAACGGTTATCAGCTGCT
GTTTCTCAGTGACGGGCCATTGTTTCAGGCATATCTTACCCGAAGCTTCTTACTCAACTAAAACAGGATGGAA
AAGCTTTACCAAATGGACCGATCGTTATCTCACCAGATGGACTATTTCTTCTTTATTTTCGGGAAGTGATTGCA
AGAGCACCGCATGAATTTAAGATTGCATGTTTAGAGGACATTAAGAAGCTTTTCCCTCCTGACTACAATCCATT
TTATGCTGGGTTTGGCAATAGAGACACAGATGAGCTCAGCTACCGAAAAGTTGGGATTCCAAAAGGAAAGAT
ATTTATAATCAACCCCAAGGGAGAAGTGGCCATTAGTCATCGGATCGATGTGAAGTCTTACACGCTTTTGCAC
ACACTTGTAACGACATGTTTCCACCAACCTCACTGGTTGAGCAGGAAGACTATAACGCTTGGAAATTTTGGAA
AAGTACCGTTGCCTGACATTGAATTATAGTCATTGAATAGGGAAGACTGGTTTATACTGACAAAAAAGATCAA
AGCGGCCTTTTCTTCCACACAAGATAGAAGTATTCGAAATCTTCACATTTTCTCTGTTTTCTTCCAAAAGTAATT
TTGACAAAAGAGAGCCACTGGAGCAGTGTTTGAAGCTGTAGCTATTTGGGTGGATCAAGCAAGTTCCTGTGGA
ATAAAGTAAAGATGTTAGTTGAATTTGTCTTGTCTTCTGCTTCTTTTGGTTTTATTACATTCAGATGCAC

TTAATTCATTTATTTACAGAATAATCAACTCAGACTTTTGTCTAGCTGGTGATGCTTTGAGGTTCTTTGGTTAC
ATGAAATGTTGTTATATACTAAAAAGTAAATTTGGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1551 AY607765|Populus alba x Populus tremula fasciclin-like AGP 13 (FLA13) mRNA,
complete cds

TCTTGAAGCAAAACCCCCTCTCTTCTCTCACCAAAAAGAACAAATACCCAAATCACTTTTCATTTTGAAATCC
CCATTTACCAAACCAATTCCCCTCCTTATAAATCCCATCTCCAATCCCTCAAAAACAGAGCAATAATCCCAACA
TTAGAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACTTCCTTCATCATGATCAATAACATCTTCCCCATC
TCCTTCTCCTCATTTCCCTCCTCTTCTCCGAATCTGTTTCAGCTCAATCTACTCAGCCACCCGGTCCCTCTGGTCC
GACAAACATCTCCGCTATCCTCGAAAAAGGCGGCCAATTCTCAACCTTCATCAAGCTTCTCAAAGCACCCAAC
AGAGTGATCAAATCAACAATCAACTCAATAACTCCAACCAAGGCCAAGGCCTCACTGTTTTGCTCCCCCTGAT
AATGCCTTCTCAAATCTCAAACCTGGGACCCTTAATTCCCTCTCCGATCAGCAAAAAGTTCAATTGGTTCAATAC
CATGTCGTCCCAACTTTTCATCTCCATGTCCCAATTTCAAAGTGTAGTAACCCACTTCGTACTCAGGCCGGAAAC
AGCAACGCCGGTCAGTTTCCGTTGAATGTTACCACTTCTGGCTCTCAAGTTAATTTGACCACCGGTGTCGACGA
CGCCGTCGTGCCAATACTATTATACCGACGGCCAGTTGGCTGTTTACCAAGTCGATAAAGTTCTTCTCCGG
TTGATCTTTTTGGTACTGTGGCGGCGCCGGCGCCGGCGCCTTCTAAGCCGGTGAAGGCTGTTTCGGGTTCTGA
TGCTCCTGCTGGTGCTTGAAGGACACTTCTAGTGACGATACCGGCGCTGCTCCGGCTATGAATTACCGATTTA
CGGCGGCGTTTGGAGCGGTTGTTGGATTGTGGTGGCGTTTGTTCATTAAACGAGGATTTAACTTTGGGT
TTAGGGATTTGATGAATGTGAAATTTTTGAGTTTACTTGGAGTTGGGAAATGAACTTGAAGAATAATTTCTT
TTG

>trans_s_1552 HM802937|Carica papaya cultivar Solo eukaryotic initiation factor iso4G (eIFiso4G)
mRNA, complete cds

AATTGGGAAGTACCTAGGGCTCGTTCTATAACAAGGGGGGCAGATGGATCTGGTATCCAGTCTGCTGGACGT
GGTCAACCGTTGGTTGGCAAAGCACCAACATTAAATGCAAGGCTACTGCCCAAGGTACCGGTGGGCTCATT
GTAATAAGACTAGTGCTCTATTGCAAGGTCAGGGTGCAGGTGGATCCACTACTCGTCCTGTAACTTTGGGCA
TGGATTAGAGCCTTCTGGTCAGGTTCTATAACCTGTTACAGCACCGACAGTTCTTTACCGGCCGAGAGACAA
CAGGCTCCAGTCACATCTTTAAACAAGATGATCTCAAAAAGAAAACCTCTCCCTTCTGAAGAATACTTCAG
TATCCGGCTTCTGGATGAAGCTTTACAGTGCGTGGAAGAACTCATGTCACCGGCTTACCACCCTGAGGTAGTA
AAAGAAGCCATTTCTTGGCTCTAGAGAAAAGCCCACCCTGTGTTGAAGCAGTTGTAAAGTTTCTTGACTATT
ACTCTCCAAGAAGGTCTTTACAACCGGTGACATTGAACTGGATGTTTGGGATATGCGTCTATGCTCCATGAC
GCAGGTATTGATTTGCCAAAACGCCCATCAATTTGGTGAGATAATTGGGAACTTGTCTATCCCGGTGTTT
AGATTTTCAGGTGGTGAAAGAAGCCATTAAGAAGGTGGAAGATGACAGGTTGAGGAAAGATGTATTTGATGC
TGTCTTGCAAACCTATCCGCTCTAATATGTCTGGGCAAGGATTATTGGATTATTGGCATCGGATATCGAGGAAT
GTCGAAGTCTGGCATATTAAGAAGGCAAGTCTTATTTGCTTCAAGTTGTTCTAGTTACAGGCATCAGATGAAA
CTTGTCGCACTTAGTTTTGTTGCAGCGTGCTCCGTTTCGTTTGCCTTCATCACATGACCACACATGTATTTTCAT
TATCTGATAAAGTGGCTACAAAGAACAAGTAATTTAAATGAGTTGTATTTTTTTCTTTTTGTTCCGGAGT
CTGTAGCATGTTTAT

>trans_s_1553 AY054493|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g42570; K16E1.4) mRNA,
complete cds

AGGGTATCATTGGATCGAGACTGGAATAGGCTTCCACCGAACACCATCGCCATTCGCCAAGGCCTGGAAGAA
ACGGTCTGTTGCAGAAGGACTCCCATCCACCATGATTCAGCTTCTCTTACCGTAATCGCTGCCCAAATGGCTC
TGATTTTGA CTCTTCTCTCCGACTCCTCTCAGGAAGCTTGTATCTTCAGTTTAGATCGTCTTAAGCGCGGAA
AAGGCCCTATCGTTGTTCAAACAATCGCCGGAAGTGTCTTCGTTGTTCTTCTTCTAGTGTCTATAGCATGCTCA
AGATCCAGAATCGGATGGTTGAGGCTGGTGAGGTTAATCCACCGATCAGGTCCTTATGTCCAATCACTTGCT
TGAAGCTTCTCTCATGGGTTTTCTGTTGTTCTTGCACTGATGATTGATAGACTACATCATTACATTCGAGAGCT
TCGACTTCTCCGGAAGACCATGGAGGTTGCAAGAAGCAAATTCGAGCATCAGAGGATGCAAGCGCAGAGA
AGCTTAAAGCCCTAGGAGAAGAGGCAACTACCTTGAAGAATAAAATAACCAAATTGGAATCCGAAGTTGAGG
TAAAACTAAGGAAGCAAACGATGCAGAAGCTGAAACAGATGCTTTAAGAAAGCAGTCTGGGGAGTACCTGC
TCGAGTACGACCGCTTGTCTGGAGGACAATCAAAATCTTCGGAATCAGTTGGAGTCAATTGAACATGCCTCCTC
GTAATCCCCAACCAAACAGGTTGTCGTAATAATCTTTAACGCATAATGTTAGAGGCATTAGAAATGGTGCATTT
ATGCTTTGCTTAATCAGAGTGCCTCTGATTAGTTGGGGTATGTATCAATGAAATGAAATTAAGCTGGGAAATT
GATGGAAATATGTTCTTTACTGAAAGCTTAATGCATTTAGACTACTTTTCATGGCTGTTTATGTACGTTTTTG
AATGTAATTACATTGTATATGACATATGATCCAATGTAATTGATTTTGATAATTGCAAGTTGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1554 AJ297967|Fragaria x ananassa gene encoding methionine sulfoxide reductase

ATATCGGAATGGGTGATGATGGATCACCACCTACAAGAAGGAGACGTGTAACAAGGCCTGGATCTGATGCAG
ATCAACCATGAGAGAATTCATCTTCTGTGGTAAACATCTATGCCCTTGATGTGAGGGAGATTTGTTCCAAATGA
TTGGAGTGTGTTACATTTTTCGTTGGTCTCAATACCTAAAAAGGTTAATTCTTAACCCACAGGGCGGGCATCC
CAGCATAGCACTAACCCATCTTGTGGGGTCGTCTTGAACATCAAGAAATGTGTGCTTGTGAATTCTCAAGGGT
TCAGTTAGCCATCGTCTTGATGCAAAATAGAGAGCCAGCATTTGGCTCACACAGGAAGCAAGAAGAGGGGAAG
ACCCAATGAGATGAATAAATGTCATCTTTTCGAAGTTCTCAGGTGGAATCATTGTCTTTTCTTTATAAAGATAT
ATGGTTGTAATTCTGTTCTAATCTATGTATATAATGGGGTGATGATTCATTTGTTTAATTTGGTGTGATGGTG
GTTTTAATTATATATTCTGTAAGGTTAATAGGCTTATATTTATTTGTGGCTACTGAATCTTCTGAATGTATGTCTT
TTTCTTTATTATTATTCTGTCTGGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
ACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCCCAAACTT
TATCAATCCCCCAACCCAAGGGGGGCCCGGACCCCATTTCCCCCAAAGGGAGTCAAATTACCCCCCTCC
CTGGCCGCCTTTTTACAACGCCGGGCCGGGAAAACCCCTGGCTTTCCCCAATTAAACCCCTTGCAACAATCCC
CCTTTTCCCCAGTGGGCAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCAATCCCCTTTCCCAACATTTCCCCACCCTAAAGG
AGAAAGGGAACCCCCCTGAACGGCCCAATTAACCGCGCGGGTGTTGGGTGTTACCCCCAAGGGAACCCCAA
AACTTGCCAGCCC

>trans_s_1555 AF180143|Glycine max ubiquitin carrier protein 4 (UBC4) mRNA, complete cds

AAAGGCAACAAATTTGACTCTTTTTATATCTTTTCTTTCTTTTACATGTAAAGGATACAGCTTGAATCACT
ACTTCCGTGTCTGAACCGTTTTGCGGGTAAGAAAAAGCCTTCATTCCCTCTTCCTATCGCTTCATTCCTTTCTT
TCCTTTCTTTCTTTCCACTTTCTTACCCTCTTCCCCTCTTCTCAATCCAATCCATAACCATGTCTTCTCCAAG
CAAGCGACGTGAAATGGATTTGATGAACTGATGATGAGTGATTACAAGGTGGAACAATCAATGATAGCAT
GCAAGAGTTTTATGTGGACTTCCATGGACCTAAAGACAGTCTTTACCAAGGTGGTGTGTTGGAGAATTAGGGTT
GAGTTGCCAGATGCTTATCCTTACAAGTCACCTTCAATTGGCTTTGTCAACAAAATTTATCATCCAAATGTTGAT
GAAATGTCGGGCTCAGTTTGTTGGATGTTATCAACCAGACATGGAGCCCTATGTTTGACCTTGTAATGTTTT
CGAAGTGTCTTCCACAACCTTCTCCTGTATCCGAACCTTCGGATCCGTTGAACGGAGAAGCTGCTGCAGTAA
TGATGCGCGACCGCACTGCATATGAGCAAAGAGTAAAGAATACTGTGAGAAATATGCAAAGCCAGAAGACA
TTGGTGCTGTTCTGAGGAGAAATCTAGTGATGAGGAGCTGAGTGAAGATGATTATCCTCAGGTGATGAGG

CCATGGCAGGTCAAGCTGATGCTTGACTTTAATGGAAAAACAAACATCAACCCTCCTCTTCTGCTATGTTCTTT
GTAAATGATTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAACTCAGTAACCATCAAAAATTGAAAGCTATGGAGAAGGTTC
CTAGGCTCTACTGTCTTTATTTTCAGGATGGTTGTGTACATTAATCAAACTATGATATAATGTTTCATGTAAT
TGTCATTTATCAATCAATCTATAATCCAACAGATCAGATACATTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1556 NM_104113|Arabidopsis thaliana ABA2 (ABA DEFICIENT 2); alcohol dehydrogenase/
oxidoreductase/ xanthoxin dehydrogenase (ABA2) mRNA, complete cds

ATAGACAAAAAGCACAAATAAAACACACAGTTTGTTCACCTTGCATTTCTCTGAAGAACAACAAATAAAACAG
AGCAACAATGGCCACTCCTCCAATTTCTTCTCTCGTTTCTCAAAGGTTATTAGGGAAAGTGGCATTGTCTACTG
GTGGAGCCTCCGGCATTGGAGAGGGCATTGTGCGCTCTTCCACAGACATGGTGCAAAGGTTTGTTCGTCGA
TGTGCAGGACGAGCTCGGTTATCGTCTCCTAGAAAGCCTCGGCGGTGACAAAGACCCAAACATTTTTATTCTC
ACTGTGATGTCACTGTGGAAGACGACCTTCGTCTGTCAGTTGACTTGACAGTGACTAGATTTGGTACACTTGA
CATAATGGTGAACAATGCTGGGATCTCAGGCACGCCCTCATCCGATATTCGCAATGTCGATATATCGGAGTTC
GAGAAGGTGTTTGATATAAATGTGAAGGCTGTTTTCATGGGAATGAAGTATGCTGCCAGTGTAATGATTCCGC
GGAAGCAAGGATCGATCATATCGCTCGGCAGCGTTGGTAGCGTCATAGGAGGAATAGGGCCACATCATTATG
TAGGCTCGAAGCACGCAGTAGTGGGGCTTACAAGAAGCGTTGCAGCCGAGCTCGGGCAACATGGAATTCGT
GTAAATTGTGTCTCTCCTTATGCGGTTCCAACGAATTTGGCTGTAGCTCACTTGCCTGAAGATGAGAGAACTGA
GGATGTATTTACAGGTTTTCGTGAGTTTGCCAAAAGAATGCAAAATTTGCAAGGAGTGGAACTTACAGTTGAA
GATGTTGCAAATGCTGTCTTGGTCTTGGCTAGCGAGGATGCTCGATACATCAGTGGAGACAATCTCCTCGTCG
ATGGTGGCTTCACCCGTGTAATCACTCGCTTCGTGTTTTCAGATGATCGACATAGCAGTCGGTCTTCAACATA
TTCAAAAATAATAAACGACAACCTGCTTGAGTCTATACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1557 AY075602|Arabidopsis thaliana At2g41350/F13H10.10 mRNA, complete cds

AATTTTGTTACATTTATGTAAATTTTCCAATTTCTACCCTAAATTTTGTGTTGCAAATCCCATTATATAAATATGTAT
GTATATATTATGAAACATATTTGGAGATTTTAAAATCAGAATTAAGTTTCATATTTTCAAAAATAATAATAA
CAATTATAGGGAAGACCAAATTTTAAAACTATTTTCACTACTCGCTGCAGATCCGACGGATCATTCGGAGCC
GTCACCGATCTCCTTTACTCCAACCTCCGTCTTCTGTTTTTGTCTTTTGTGTTTGGTTAAGGGATAAAAAA
ACATACCATTTTCCGACCAACTATGAGCGATATAATGTCACCGGCGGTGCGATTCCGATTCGAAAATGGGATCA
GATCCAACCTAGTCGAATTGCCGAAGTGAAGGAGTGGTTGGGATCCGAATTCGGCAGGGCCGGCAAAGAAGT
TCCCAGATTTTGAATACACCCCTTTTAGCGTCTCTCATTTGCACAATCTCTGCAATCTCTCCAAGCAAAGACACG
CGCCGCCGAGATTCTGGCCAAAGACTTCCGCCTCAAGGCCGCCGAGTACCGCGCCCAAGCGGCGAGAATCAG
AGAGATTTTGGAGAGCGTAGGGATGGCACAGGAGAATTTACCCTCCAATGTCGTTTCATCGGCGCAAGTTCTT
GCTAATGTGGCGAATTTGTTGAACATTAGGGATACTGAGCTCAGTAGCTTTCTGGTTGCAATGGGGGATATTT
CTTTGAGGAAAATAAGTGTTGAGGAGAAGAGGGCAAAGGTGGAGAAGGATTCTAAGGTTCTACTGGATCAT
ACTCGAAAGGCAATAGCTAGATTAACATATTTGAAGAGAACATTAGCACAACTAGAAGATGATGTAACCTCAT
GTGAAGCTCAAATGGATAATTGGAAGACAAATTTAGCTGTAATGGCTGCCAAGGAGCGGCAGTATATGCAGC
AATGTGCCAACTACAAGGCAATGCTTNAATCGTGTGGGTTACTCACCAGATATCAGTCATGGGATACTGGTTG
AAATGGCTGAGCAT

>trans_s_1558 AB010879|Nicotiana tabacum mRNA for chloroplast ribosomal protein L10,
complete cds

AGACTCAGCTCTGTCCTCTCTTCTTCTTCTTTCCCAAACCTCTTAAATTCCGCCATGGAAGCTTCTCTTATAA
GCTTTACATCCTTCACACCTCCTCCTTCTTCTCAAATTCTAACCTAAACCGACCCACAAACCCGTTGTCCTTCTC
TCTTCCCCGCCATTCCACCAATCAAACCCGCCATTATCGTGGTCTCAAGGTTGCCGCCGCCATTTCCCGCACTAA
GAAAGAAGAAACCGTCGAAACAGTCAAACAACAGCTCGAAGACTGCTATCTATTGGCTGGAATCAAGTACAA
AGGCTTCACCGTCAAGGAATTTCAAGAACTCCGTGATCTCTTCCCGAAACCTCAAACTCATTGTCGCTAAAA
ACACGCTCGTTCTTAAAGCGATTGAAGGGACATCTTGGGAAGCTCTAAAGCCCTGTATGAAGGGCATGAATGT
TTGGTTATTTGTTCACTCTGAGGAAATTCGGCCGCGATTAAAGCCTTATAGGGATTTCCAGAAGGAGAAGAAG
CTCGAGGATAATGATTTCACTGGAGCGGTTTTCGAGGGGAAATTTTATGGGCCGGATGAATTCAAGGCGTTA
GAGACAATGCCGTCAAGAGCGGAGGGTTTATGCTAAAATGTTGGGTCTGTTGCAGGCTCCTGCGTCAAGCTT
GGTCCGAACGATACAGGCTCCGGCGAGGGAATTGTTGATGGTTTTGAAAGCATACGTGCAGAAATTGGAGGA
GCAAGGCGGCGGCGGCGGCGGAGTAATGTACATAGAAGAAGAGCTTCCATTGTTACCTGTAAGTTAATATGAA
AACCCCTTCTGAATTAGCTGCCTACAGCAAGGTGTATGATTGATTTCTTTTTTTGGCCTCCTTGGGTTATCA
ATATAAAGTTGTTATGAGGAGAAATAGTAACTCTATGAGAAATGAGCATTGTAGAATCGGTGTAAAGTTGAA
ATTCATTGTAAGCTTTTGATTTTCAAGCCTAATGATCAATTTATAAGCTTTCCATCAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1559 BT010202|Arabidopsis thaliana At5g19860 gene, complete cds

ATAAATGTTTGGGCAAAGAGATATTTATTTGGGTTCCAAACGGGAAACACGACCAATGAATTACAGCGGAGA
AGGGGAAGGTGAGAAAGATAAGGCTGATTAGTCGATCAATAAACATTTGTCAAATCTTTCATCAACGACAAAT
CAATTAATGATCAACCTCACGATTTCCAAATCCAACCTCCAAATTTCTCTACCCATCACCGCCATTGCTCATCT
TTCTCTTCTTTCCCTCAATCTATCGCTTCACCAATTGAAAGTTTTCGTTTTTTGAGAAAGAACGATCAACCAATT
ACCATCCATGGCGGGATCTCATCTGGGTCTAATCTTTTACCTTCTTCGTCTTCTTGACCTCAATTCCTCCGCTT
TCTGCAGCAGGGTCCGATGCCCCACTGTCTATGATGTTCTCCCTAAATATGGCCTTCCCAGTGGCCTTTTACCT
GACTCCGTCTCGACTACACTCTCTCCTCCGATGGTCAATTTGTCGTTCAATTTGGCCAAACCTTGTTACATCCAT
TTTGATTACTTGGTTTATTACCATAAAACCATTACTGGGAAGCTCGAATATGGCTCCATCACTGATCTCGACGG
CATCGAGGTTGAGAAATTGTTTCTCTGGTTCGATGTGAAGGAAATCAGAGTCGATTTGCCGCCTTCTGATAATA
TCTACTTCCAAGTTGGATTTATCAACAAGAAGCTCGACATCGACCAATTTAAGACTATCCACTCATGCCAGGAT
AATGCTTTGGCCTCTTCTCTTGGCTCCTGGAAACGGATTCTTGAGCTCCCGCCACCGATAGATGACATCCAGAT
GCTAATCACCGAGTAGCTCGTCTTCACATGTCCAAGTTCTTGAAGTTTTCTTGCTGCATTATCGAAATGAGCA
GAAGAAGAAATTTAGAAGTTTTAGGTATATGGTCTCAGATTAGACATCAAAATGTCAAATGTCTATCTTGG
AGACCTGTGATATGAGTGTTGTTAATTTTCATGTGTCTTCCGGTTGATCCTCAAAAAGAAATGCCTAAAACA
CT

>trans_s_1560 GU189242|Nicotiana benthamiana Tap46 (Tap46) mRNA, complete cds

GGCTCATTACCATCAAATTCGATCGCCGTTCTTCAATTTCTCATCTCTCTCCCATAATTCAGTCTCATCGTTT
CATACTTCATTTGTTTTCCCATTTCTGATCGACGAACTTAGGGTTTCGATTTCCGATTTCTGAATTTTTCATG
TGAATTTGTTTTCAACCATTTTATAGCCGCCTATTAGGGTTTCTTCTCCCGAATACTAAATGGACGACCT
GCCTCTGCCTTCAATCTTTGAACAAGCGAGGAAAATTCATAACGCTGCAACTGAGTCTGGTTTGGATCAGGAC
GCTGTGAGGAAGGGTTGTGATGCATTACAGAAGTGTGAGGACATGATTGGGAAGCTGGGATTGTTCTCAGCT
AATGAGACTAAGGAGGATATCAGTACCGGAAATCTTAAATATATTCTGGTGCCATTTTATCTTGCTGAGTTGAC
TGAGAAGATTGTACAAGATGACCGAATTCCTCTCCTTAGGGCTTCCAGGCAAAATTAAGGAGTTCATATCA
TTTTGTGAAGCTATGGAAGTGGTGCCACAAGAGGAACTCAAACATCCACTGAAGGAAATTCATTGCAGATC
GAAGGGCTCGTAAATTTGCAAGGTTCAAACGTCAAAGGCTGCGGAATCAAAGTTACTTGAGATAAAGGAGC
GAAAAGAGCGCCGTGGACGTTCAAGCAAAGCATCTGCATTGTCTGCTCCTATAGAGGCAGGAGAGGAGGAT

GTGCTGGATGATGATGGAGAAGAAGAACGTGAGGCTTGGCTTACGACCATCACTTTGGCAATCTGCAAGGCC
TTTGATTTGCTAGAGATGCTGAAGAAGGAGGAGGAGATGCTCTCTTCCATTAAGGAAAAAGAAGAAAGGAT
GGGGACAAGAACTTTCTAGAGAGATTCTTGATGATCGTATGAAAAGAGCAGAAGCTTGGCATCGGGATGGT
GTTGTAAGAGCTCGATATACCAAACCAGCACCACTATCACTTGTGCAACATTTGCTCANGATGTCTTAGAAG
GAAGAGCAAATGTCTCT

>trans_s_1561 XM_002323809|Populus trichocarpa nucleosome/chromatin assembly factor group
(NFA905), mRNA

AAAGCAAAAGGGTTTTAGAGACACTCTTCTTCTGGGTTTTACCGCTTCTTCCCCACAACGCCAAGATGATTGCT
GATAAGGGCAAGAAGGCCAAGCTCTCTGAAAAGCCCCGAAGACGACAATTCTGAGGTCATCGATGCGAAACTC
GTTATTTCCATCGAGAAGTTGCAGGAAATTCAAGACGAGCTCGAGAAGATCAACGAGGAGGCCAGTGATAAA
GTATTGAAGTGGAACAGAAGTACAATGAAGTACGAAAACCTGTCTACTACAAGCGGAATGAGATTATCAAAT
CAATTCCTGACTTCTGGTTAACAGCGTTCTTGAGTCATCTGCTCTTTGTGAACTTTTAACCGAAGAGGACCAG
AAGATATTCAAACATCTCACCTCCCTGGAAGTGGAAAGATTTTAAAGATGTCAAATCGGGTTACTCAATTACTTT
TAACTTCAACACCAACCCCTTATTTTGAAGATACAAAGCTGACGAAGACCTTCACCTTTCTTGATGAAGGAACTA
GGAAAATCAATGCTACATCGATAAAATGGAAAGAGGGAATGGGTTTACCTAATGGGTTTAAACATGAGAAGA
AAGGGAACAAACGACCTCAGGCTGAGGAAAGCTTTTTTAGCTGGTTCAGTGATACAGAACAGAAAGATATTG
ATGACTTCCATGATGAGGTTGCGGAAATTATCAAGGAGGATTTATGGCCTAACCTTTATCCTACTTCAATAAC
GAGGCTGATGAAGATGAATTGGATGAAGACGAATCTAATGAAGAGGGAAAAAGAAGATGACGACTCAGATGA
TGATGATGACGATCAAGATGATGACAATGATGCTGGTGATGATGAGGATGATGACTAAGATGACTAGTGAAG
TTTAATGCATCTCTTCAAATGGCTCATTTCTGTAATAGTTGCTCAAGTATCAGTTGGTAAAGGAGAATCGTTTCT
TGTGGTAGCCTTCTTCCGGTCGTGGTAGGGTAACGGTTTGTAAAGTTCAGTTGGTCAGGCATTTGACTCGACT
CTACTTTCTCCCTAAGAGCC

>trans_s_1562 NM_119602|Arabidopsis thaliana ARI1 (ARIADNE); protein binding / zinc ion binding
(ARI1) mRNA, complete cds

TGAGGACCAGCAACAGCAACTTGAGGCAAATGTTGAGAAGCTCTCCAAGTTTTTAGAAGAGCCATTTCGATCAA
TATACTAAAGATAAGGTAATGGAGATACGCATGCAAGTCATCAATCTGTCAGTTATCACCGATACCCTCTGCA
AGAAGATGTATGACTGTATTGAGAATGATCTTCTGGGTTCTCTTGAAGTGGGTATCCACAATATTGCTCCTTAC
AAGTCGAAAGGCATCGAGAAGGCACTGGAGCTTTCTGCTTGTTGGAACAGCAAAGCAAATACTTCAGATAAA
TATCCACCATCTGACTGTGGTACAAGTGGAGGATTGTCGGAATGTGAACGACTGACTAGCTTGAATTCCGAGG
AGAACGGATGCTCTTCTAGGAAACGTGCCGGGGCAGAAGTTGTTACTGGCAACTTTTTTATCTTAACTTGC
CTGCTGAGGTTGTTGATAGAACTGATATCTGGAAGTTACATGGTTATAAAGTACAGTTGTACAGATCTGACA
TAAAACGTTAGCTTCGTTGTTAGCATGGGGGGACAGGCAATCAAGGATTAGTAATCCTAGAGGTGCTTTTTTT
AACTCTTTTTTCTTTTTTACTCTTTGCTCTTCATGTTCTTGTCTCAGGTTGGAATATATTGTCTTCGGCTGAGCCTA
TATTTAAAGAGAATCTCCTTTTAAAGTTCATGTTTTCTTTATTTCCATTTAGCTTTTGAAAAATCCGCAAAATTGT
ACATAGCCGTGATATCAATCAGGCTTTGATGGTAGTATTTGGAATGTAAATGCTTATTTCTCAGCCTGAGACAG
ACAAAGAGAGTATATGCGTTATCTGATAAGTTTAAATGTTTTCTTTGGCTGGAAAAGAAAAATTTCTATGCTTTC
CTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCTCCAAAACTTATCCAT
ACCCCCACCCCC

>trans_s_1563 FJ858144|Medicago truncatula thioredoxin h8 mRNA, complete cds

AAAGCTTTCATTTTACCACACCCAACGCGCCTTTGAACTCGAAGAAAAGTCAAAAAGTCCAAAATCTAGGGC
AAATTCATTTTCCGATTCCAAAATTCATAAATACAATTTGGGTTATTGCCAAAATTTCCATTTCCCTGTTTTC
CGATCGTCATCGTGAACCTACTGTTTCTGGGGTTCAGTTCCTCGTCTTATCCCCCTCCGATTTACCATTTTCG
ATTGCTTTCCTTCAAAATCAATATCCGGAACAATTTTCTCCGCAAAACCGCGTGGGTTTTTTTTTCTCCACAA
TTTATTGATGCCATCACCCCTCCACCGGCTACTGGATTGACTCGAGACTCCAATTCGGGGGTTCTTGAGGGCTA
ACTTGTGATACGTAGAACACTTCAAAAATCTGTACTTGGACCTTCAAATGGGACTTTGCTTTAGTAAGTCCGAA
ACCAGAGACGATGACTCTGAGCATCATGTTGAGTTTGCTGCTGGAATGTCCATCTAATCACAACCAAAGAAT
CTTGGGACCAAAAGTTGGAAGAAGCTAATACTAGCGGCAAAATTGTGATAGCGAACTTCAGTGCAACTTGGT
GTGGTCCTTGCAAGGTGGTTGCTCATTCTACAGTGAATTGTCAGAGAAATACGAGTCTTGATGTTCTAGTA
GTTGATGTTGATGAATTAAGTACTTCAGCACTTCTGGGATATCAAAGCTACACCTACCTTTTCTTCTCTCAA
GAAGGACAGCAAATCGACAAGCTTGTGCGAGCGAATAAAATCGAACTAGAGAAGAAAATTATTGCAGTGGC
AGATTCTCTCCCCCTAATCGGATATGACTTCGGGTAAATACCATTTTAAAGTCCTTGAGTGTCTTCCCTGTATC
ATGAATGTATGATGTTGTTTCTTTGTATAATGCCTCTCTTTAAGTGTAGACTATTAGTAATATTTATTTTAATT
ATTGTGACTTCTTAGAAGCTTTCAAGCGCAAGAAAAAAAATATATGAATGAAGCATGTGGGTTTTTCCACA
ACG

>trans_s_1564 NM_001051245|Oryza sativa Japonica Group Os01g0833100 (Os01g0833100)
mRNA, complete cds

AGGGATAATTTAATTAAGTCATTTTAAGAAAGGAAAAGTAAGAAGTAGGCCTTCCGGGCGAACCAAGGCGGC
AAAAAGCCACCGGCCACCCTCACCGCCACAATTTTCGTCCGCCACAGAATTTTCCAAGTCTTTATCGCATTTATT
TATTTTTAATTCTTCTCGGTCGTTGAAAATGATTGAGAGAGAGAGAAGCAGAGTCTGTTTTCTTCTGTTGAA
TTTGAGTCAATTTTGGGATCTCTCTGTTTCTTCGATTCACGGTGGATATGGAGCAGATAGGTCAAACGGAG
GTTTGTGCTCCGAGGTCTCTGCAAGTATGACAAGCTTTAATGGATTGGCTCTGTTTCTTCTTCATGTCATTGTT
CAGATCGTGCGGGTCTCCTTCTTGCCTCAGATTTTGCTTACACCGGTTTTAGATTTCTTCTTCTTCTTCAT
CTGCGCCATCTTTTAAACCTTGCCTGCTGCTGAGCTTCTTCTTCATCAGTTTTCAACAAAGAAAATTAGCTCTC
TTAATGATTTGGATGATGGTGGAGGTCAAGATCGCCCTCTGGAAGAAATCACGGTGTCTTCTGATTTGGATGA
AACATTGGTTTGTGCATATGAAACATCCAGTTTGCCGGCCGTTTTTGAAGTCAAGCAACAGAAGCTGGCTTG
AATTGGTTTGAAGTGGAAATGTGTATCCTCGGACAAGGAAGTTGAAGGAAAGCCAAAGATCAGTTATGTAAGT
GTATTTGAACGTCTGATGACGAGTTCTTGAGCCAGGCTGCTGAATATGCTGAAGTATTTTATTTACTGC
TGGTCTTGAAGGTACGCTAAACCACTGGTTGACAGAATAGATACAGAGGGAAGATTTAGCCATCGACTTTAT
CGACCATCAACAGTTAGCACAGAATACAGAGAACAGTAAAGATTTATCCTGTATACAGAGAGATCTCTCAA
GGGTGTTATTATTGACAACAACCCTTTAGTTTCTTGTGCTGNCACCAATGAATGGAATCCCATGCATTCCGTTCT
CTCCAGC

>trans_s_1565 HM122592|Malus x domestica HSF domain class transcription factor (HSF4) mRNA,
complete cds

ACGGGATCTGATTTGCTTCATGCTTGTGGCTCCTCTCATGGAGGAGCCGACCACCAAGTCGACAAGTACTGGA
AACGATTCCTACAGATCTGTTCCCACTCCTTTCTTGACCAAGACGTATCAGCTTGTGACGACGAGTCAATCGA
CCATGTCATTTATGGAACGACGACGGATCTACCTTCATCATTTGGAACACCACGGCTTTCGCTAAAGATTTTC
TTCCAAAGTATTTCAAACATAATAACTTCACCAGCTTTCTCCGTGAGTCAATACTTATGGATTTAGAAAGTTG
TATCGGATCGTTGGGAGTTCGCGAACGAGTGCTTTCGCAAAGGCAAGAAACAGTCTTTTGTGAGATTACGCG
TCGGAAATTGGCCGGTCCGGTTCGTCCTCTGCTTCTAACGCGGCTGTTGTGACAACCGTTGGTGCTTCAGCA
ATTCCGTCTGTCCAATATTGCCATTGACGGGAAATCTTCAGGTGAAGAACAAGTGATTCGTCTGATGAGAC
TCCAACGAGAGCTCTCGCAGAGCTGATTGATGAGAACGATCGGCTGAGAAGAGAGAAAGTTCAGCTCACGG

>trans_s_1566 NM_102640|Arabidopsis thaliana ATNUDX15 (ARABIDOPSIS THALIANA NUDIX HYDROLASE HOMOLOG 15); hydrolase (ATNUDX15) mRNA, complete cds

>trans_s_1567 XM_002310372|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription factor (ERF45), mRNA

[illegible]

>trans_s_1568 EU033956|Glycine max inositol pentakisphosphate 2-kinase (Ipk1) mRNA, complete cds

ATAACACCTTACACGTTTCTTTCCTATGATGAACCAGTCTTCCACCTTCTCCCACTGCCAACTATGGCTGCTTC
CTTCACTCTCCACTTTTAATGTTTTCTTTTCACTTCCAACCTCCCTACTCCTCTGCAAACCCCATTTTCATCTACTCCT
TACACCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTTCCGGGTTTTATTGAACTCGACCTTGATTATACTTAGCATTCTCGCCAG
AGGTCCGATCAGACTTCCAAGAGCATCTGCTGGATGGAAATCGTACTAGACCAGAAGGATGCTGCTGATTGG
ACTTATAGAGGCGAAGGAGCTGTCAACCTCGTTCTTGCTTATACTGGATCTTCTCCTCTTTTTTTGGGAAAGTT
ATACGGATACAAAAGGCTGCAAGAAATGGATCACATTGCACGAGCGTTCGGAGCGTAGTTGCTTTGTCTGCG
CATGAGCGTCTTCTGTGGAGAGATTGGGGGATCTTGTTTCGTGCACAGATCGTGATGTTGTGTGTCAAATGT
ATGTGCAGCATGTAATGATCCCGTTATTGGATTCCAAACATGTTGATGCTGGGGTCCATATTCTCGTAACGAGA
GAATTCCTTGAGACTATTGAGAAGAACATTCTAGTCAGCGTCCTGCTTGGAGGGTTAGTGCAGGGCGAGTCA
ATATACATTGTGATTCTGTCTCTTCAATCTGACCATTCTATTTTTCTCAAGGTGGTGAAGGTGAATTTTGCA
TATCTGTCGAGATAAAGCCAAAGTGGGGATGTCTTCCAACCTCAAGATTCATAAGCAAAAGAAATGCCATTAA
GAAAAGTGTGACTCGTTTTAGGATGCTCCAAGCATGGAAGCTGCAGAAAGGCGAGATATCAGAGTTAAGTGA
TTACGATCCTCTAGATTTGTTCTCTGGATCCCAGGACCGTATATATAAAGCAATCAAAGATCTTTTCTCTACTCC
TCAGAATAATTTCCGTGTCTTCTTTTGATGGTCCCTAATTCTGGGACAGAGGGTGGCTATGCTGTTGACACTA
ATT

>trans_s_1569 GQ369734|Vitis vinifera cultivar Cabernet-Sauvignon NAP-like transcription factor mRNA, complete cds

AACATGAGACTCACCACATTCATCTAAAGCCGCCAAGATAGGAAGATGAAGTCAAAGAAAACACCAATCAAA
AACTGCCACTCTACACAAAACGACCAAGCCCACCAACATAAAAGCCCCATTCATCTCCATTCCAACATTTCAA
AAACCTTCATTTCTTTCTTCTGTTTTGCCTAAACCTTAAATACCACATTCATTCTTTCATTTAATCCCAAAATTCA
CTTCACAAATGAAGAAGAAAACCTGCACTGAGCTTCCTCCTGGCTTCAGATTTACCCAACTGATGAAGAATTG
ATCATGTTTTACCTTAGAAACCAAGCCACTTCCAACCATGCCCTGTTCCATAATCCCTGAAGTTGATATCTAC
AAATTTGATCCTTGGGATTTGCCTGAGAAGGCTGATTCAGGCGAAAACGAATGGTACTTCTTCAGCCCAAGAG
ATCGGAAATACCCAAACGGGGTTCGGCCTAATCGTGCGGCGGTATCGGGGTACTGGAAGGCGACCGGAACC
GATAAGGCGATTTATAGTGCATCAAAGTATGTTGGAGTAAAGAAAGCTTTGGTTTTTTACAAAGGGAAGCCAC
CAAAAGGTGTTAAACTGATTGGATTATGCATGAGTATCGTTTGATTGAATCAAATAAACAATCAATGAAACA
TTCAGGCTCCATGAGATTGGATGATTGAGGTTTTGTGTAGAATATACAAGAAGAGACATTCAAACAAAGGGTT
ATTAGAGGAAAAGACAGAGGAATTAGCAACACAAAACGATGTCATAGAAAGGAATGGACAAGGACAACAAA
TGATGAAATTCCCAAGGACTTTTTCAATAACACATCTATTGGATTTGGATTATTTAGGCCCATCTCTCAGCTTT
TCAATGATACTTCAAGTATTAACCCAACGCTTGGGTTTCAAACAACACTGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCTTTT
TACAGTGTTGGGAAAGTAGAGGAAGGAGAATAATGCCATTAGATTACTCATCTTCTTCAACAGATTTTCAAGT
GAATCACAACAA

>trans_s_1570 EF492882|Cyclamen persicum heat shock protein 70 (hsp70) mRNA, complete cds

GCAGTATTTGTTCTAACCATTCAATCCAATTCAATCCAACAATCAATCAATCCATTTCTTCTTCGCTCAAATTCT
TACTCCATCTTCAACTTTGCTTTGCTTTGGTATTCGTTAATGGCGGGAAAGGGAGAAGGTCCGGCCATCGGTAT
CGATCTCGGTACCACTTACTCTTGTTGGAGTTTGGCAACATGATCGTGTTGAGATTATTGCTAATGATCAAG
GTAATCGGACCACGCCCTCCTATGTCGCGTTCACTGATACTGAACGACTCATCGGTGACGCTGCCAAGAACCA
AGTCGCTATGAATCCTCTCAACACCGTCTTTGATGCGAAGCGTTTGATTGGAAGGAGATTCTCCGATCCTTCGG
TCCAGAGCGATATGAAATTATGGCCATTCAAGGTGATCGCCGGTCCAGGGGACAAGCCTATGATCGTCGTCA
ATTACAAAGGCGAAGAGAAGCAATTTGCAGCTGAGGAAATCTCATCCATGGTTCTTACAAAAATGCGTGAGA

TTGCAGAAGCTTACCTTGGTTCTCCGTGAAGAACGCCGTCGTACCGTTCTGCTTACTTCAATGACTCTCAA
CGTCAAGCCACCAAGGACGCCGGAGTCATCGCCGGTCTTAATGTTATGCGTATCATCAACGAGCCTACAGCTG
CAGCCATTGCTTATGGACTCGACAAAAAGGCGACCAGCGTTGGCGAGAAGAATGTTCTGATTTTCGATCTGGG
GTGGAGGAACATTTGATGTCTCTCTCCTCACAAATCGAGGAAGGAATTTTGAAGTGAAGGCAACCGCCGGTG
ACACCCATCTTGGCGGTGAGGATTTGACAACAGATTAGTTAACCATTTGTTTCAGGAATTCAAGAGGAAGCA
TAAGAAAGACATCAGTGGAAATCCAAGGGCTCTCAGGAGATTGAGAACTGCTTGTGAAAGAGCCAAGAGAA
CCCTTTCATCTACTGCCCAAACAACAATCGAAATCGATTCTCTGTACGAAGGAATCGATTTCTACACAACAATT
ACTCGCGCTAGATTC

>trans_s_1571 NM_104730|Arabidopsis thaliana ARPC3 (actin-related protein C3); structural
molecule (ARPC3) mRNA, complete cds

AAGAAGAAGAAGAAGACGGTGACGGAATTATTAGAAGCGAAGAAGTCCATTTCTCCGATACCTGCCATTTGC
TTCGGCCTTGCCCTGAAATTTCCGGTAGCTATTCTGACTCCGATCCGCTCATCGAACAGAAATCTTTCGGTT
GAGAAGAATTCGAGCTTGGGCAGAAGTGTAAGACGTTGGTTATTGAGAAAAATAATGGTTCATCATTCTAG
CTTTGTGGATGAGGAAGGAATAAGCAAGGCTTGTGGTTGTCCTTTACTTCCTTTGAAAAGTCACATAAAGGGT
CCTGCTCCAGTTTCAGATCAAGATAAGACTGATATTGTTGATGAAGCAATTACATTCTTTCGTGCCAATGTCTTC
TTTAGAAATTTTGACATTAAGAGTCCTGCTGATAAGCTTCTCATCTATTTGACATTCTACATCAATGTGGCTTTG
AAGAGGCTTGAAGGTTGCAGAACTTTGGCTGTAGGAACCAAGGCAATAATTAAGTTGGGTTTGGAGAACGTT
CCCGTGCCCGGAGAGTCAGGCTTTCCCTTTCCTGGACTCTCCCTATTCCCAATCTAATGAGGAAGCAGAGCT
ATTCAGGAATTATTTGAAGCAGATAAGAGAAGAAACGAGTGGGAGACTGTTGAGTGTTCCTATAGAGCCAA
TGGGACTCCAAATAAATGGTGGTTAGCATTTGCAAAGAGAAAATTCATGAACATCATCATTCTTGATGAATTT
GCTTCCAAGACTGTTGATGTGAAAGTTTTGAACATCATCATTCTTGATCACATGGGCTGCTTGTGGTTTCTACT
GGTATTTTAGGAGTTAGTTTGTATGAACAGAATCTGAATGTTATATCAGTTTATGCTAATGCATATCAAATTC
ATCAGAAGCTAGGTCATATTCTTTTTCTTTTAATAATCATCTTAAATGTAATATGCTGTCATTTACAATTTTTG
TACATCAAAAAAATTACACAACCCATCTTAATCAGAAGAAATAGTTTATCTCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_1572 FJ905102|Nicotiana tabacum cultivar SNN chlorophyll synthase (CHLG) mRNA,
CHLG-2 allele, complete cds

CTGCGCAAGAAACAAATAAATGGAACATTCGTCTTCAATTGACAAAGCCTGTTACATGGCCGCCCTTGGTTTG
GGGGGTAGTTTGTGGTGCTGCTGCTTCTGGTAACTTCCATTGGACTATTGAGGATGTGGCAAAATCAATTGCT
TGCATGCTTATGTCTGGTCCATTTCTCACTGGATATACGCAGACAATCAATGATTGGTACGATCGAGAGATTGA
TGCAATTAATGAACCTTATCGTCCAATCCCATCTGGTGCAATATCTGAGAATGAGGTTATAACTCAAATATGGG
TGTTGCTTCTAGGAGGACTTGGCTTGGCTGGTTTGTAGATGTGTGGGCAGGACATGACTTTCCTATAGTCTTT
TACCTTGCTCTAGGTGGCTCTTTGTTGTCATATATATACTCTGCTCCACCTCTAAAGCTAAAACAAAATGGATGG
ATTGGAATTTTGTCTTGGAGCTAGTTATATTAGTTTACCATGGTGGGCAGGTCAAGCTTTGTTTGGAACCTCT
CACTCCTGATATTATCGTTCTCACACTCTGTACAGCATAGCTGGTTTAGGAATAGCCATAGTAAATGATTTCAA
AAGTGTTGAGGGCGATAGAGCTTTAGGACTCCAGTCACTTCCGGTAGCTTTTGGTGCTGAAACTGCTAAATGG
ATTTGCGTTGGCGCTATTGACATAACGCAATTGTCTGTTGCTGGTTATCTGTTGGGAGCCGGCAAGCCGTATTA
CGCATTAGCCCTGCTTGCTCTTATTGGTCCCCAAGTTTTTTTCCAGTTCAAATACTTCCCCAAGGACCCAGTCAA
GTATGATGTCAAATATCAGGCCAGCGCACAGCCATTTCTGTGCTAGGTCTGTTGGTCACTGCTTTAGCAACCA
GCCACTGAACCCAACATCGGAGAGAATTAAGCACACACCTAATCGCATGCAAGACAAATGCAAGGCCAGAGA
AAGCAGGAAGCCAATTCTTGCTCGCTCCCCAACAGCAACCGGCTCAATTCANGTTAAATTTTTGCCTTGTTTG
CAACAC

>trans_s_1573 AY143592|Glycine max urease accessory protein UreF mRNA, complete cds

ACTTTTGTTCATTGTCATTCATCCAATTTCAATTCGATTCTTGCATATTCAGTTATAGTTCCAACACTCAATTCT
CTCGCGCTAATATGCTATCCTGATGTCAATGTACCACGAGCATTGTTCAACGTTTTTGCTTCTCCTTTGGCGAGA
TGAGAATCTATGCAATAGTACAACTTGACATGGATGACAAACATTGTCACTGGAGCCAATGGCAACTGCTCG
ATTCTATCCTTCCAACCTGGTGGCTTCGCTCATTCAATTCGGCCTTGAGGCTGCAATACAAGCTCAAATCGTCTCAA
GTCCAGAAGATCTCAAACTTTTGTGATCCATTATTGGACAACACTGGAAGTTTGTTCCTCCCTTTGTTTATT
CAGCCACACTATCACCTGATTTTGAAACCTGGAAGAAAAACGACAGGTTATTGGATGCAATATTAATAATGA
AGTTAGTCGAAAGGCATCTGTTACGCAAGGGTCAGCACTCATGAGAGTTTCAGCAATTGTGTTTTCCGAAATC
TCATCTCTGAAAGCAATGAGGGAGCACTTGACGGGACTGGGACTGTGTCGTTCCACCATGCTCCTATCTTCG
GGCTAATCTGCGGTCTACTTGGATGGGATGGCACAATGTCACAAAGAGCATATCTCTTTATTACCTTGAGAGA
TGTTATTTCTGCTGCAACGAGATTGAATTTAGTAGGACCTTTGGGTGCAGCTGTGTTGCAACATCAGCTTGCAC
AAGTTGCTGAAAACGTATTGAAGAGATGGATGAACCGTCTGTTGAAGAAGCTTGCCAAGCGGTTCTTTGTT
AGAGACGGTACAGGGATGCCATTCGTACCTGTTTTCTAGAATGTTTTGTTCTTGAAAAGTTTTTCAAGTGAAAA
CTGCATCTTTCTTTGATTTTGGGGAATTGGGAGTCCCCTTCTTTCATGTTCTCTGCTTGAAAATGGTAGTGGAT
TATGAGATAATAGTGGCAATGTTGAAAATCTCTTACTCACATATATGCATTTCAATTTGTATGGCACTCCATGTT
TT

>trans_s_1574 FJ915830|Jatropha curcas DSBA oxidoreductase family protein mRNA, complete cds

ATCGCCATTCACCGTATTCAACTGCCACTGCGGTTCGTTTCTCCCGCAGACTCCCAATTCCATCCTCTTAATTA
TTCCAGGGAGAGTACAAATTCAACAGGATCATGACTGAGTCAGTTGGGAGTAGGAACATGGATAAAAAAGCTT
ATACAAATCGATATAAGCTCCGACACGGTTTGCCCGTGGTGTTTTGTTGGCAAAAAAATCTTGACAAGCAAT
TTCTGCCTCTCAGGATCAATATGATTTTGAGTTGAATTGGCATCCTTTCCAGCTCAACCTTCTGCTCCCAAAGA
AGGTGTTGTTAAGACAGAATATTACAGGAGTAAGTTTGGAATTCAATCTGAACAGATGGAAGCTCGGATGGC
AGAGGTGTTTAGGGGTCTTGGACTGGACTATGACACTTCTGGGCTGACGGGAAATACTCTAGACAGCCATAA
GCTTATATATTTGGCTGGCCAACAAGGCTTAGGCAACAACATGATCTTGTGGAGGAGTTATGCCTTGATAC
TTCCTCAGGGAAAATACATTGGTGACAGAGATTTTCTTTTGAATGTGCTAGAAAGGCAGGGGTGGAAGGA
GCAGCAGAGTTTCTCGAGACCGCTGATAATGGAGTTAAGGAGGTCAAGGAGGAGCTTGAGAAGTACTCGGG
TAAAATTTCAGGAGTTCCTTTTATGTTATCAATGGGAAGCACAAATTGAGTGGTGCTCAACCCCTGAGGTTT
TTCTAAGAGCTTTTCAAGTGGCAGGGAAGTGAAGTGAAGCTTGAATTTAACCGTCAATAAGAA
TGTAATTTCTGTTACTAAAATCAGTATTCTATACTTATTCCTGTATTTACTACCATAATGGAATACATTTTCAGA
TCAAAGTCTAATTATAGATAGAAATTTGTTTGCCAAGTAATGAAATACTTGGATGTACACTATTAGTATTATG
CCATGCGGCTGTCTTCATGCGATAGAGATTACATACCAACTTCTAATAAAAGCAAGCACCTCTCAGTGCAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1575 NM_120890|Arabidopsis thaliana SYP132 (SYNTAXIN OF PLANTS 132); SNAP
receptor (SYP132) mRNA, complete cds

TAAAAGGGAAAGGGCCTTCGTTTCCGCTCTGTCTCTGATCTGTCGCTCTCTCTTCTCTCTCTCGTTGCTGGTC
CAAATTTTGAACCTCAACGACGGATTTTCTCTGTTTCAGGAGCATTCAAAGCTCTGTTTCTATACCCATTTCTTT
CCCTCTTGAAGCTTTCATTCTCACACATTTCTCTCCCTGAACTCCGAGCTCGTTTTATAATGAACGATCTTCTT
TCGGATTCCTTTGAGATCCCTCGGGGTCAACCTTCTAGAGGAGGAGACATTGAGCTAGGAACAAATGCTCCAG
GGGATCAGGGCATGGGGGATTTCTTCAAAAAGGTCCAAGAGATTGAAAAACAGAATGAGAAGCTGGATACG
CTATTGAGAAAGCTCCAGGATTCACATGAGGAGTCCAAGCTGTGACCAAAGCTCCAGCAATGAAAGCGATC
AAGCAGCGGATGGAAGAAAGATGTCGATGAGGTTGGAAGATCGCACGTTTTGTGAAGACTAAAGTTGAAGA
ACTCGACAGAGAGAATCTGGCAAATAGGCAGAGGCCCGGGTGTGGAAGGATCAGGTGTAGATAGATCAA

GAACAGCCACTACTCTTGCCTTAAAAAAGAAGTTAAAAGACAAGATGACTGAATTCAGATTTTACGGGAAAA
AATCCATCAAGAGTACCGGGAGGTTGTTGAGAGACGGGTTTTACAGTCACGGGTGCTAGGGCTGATGAAGA
GACCATCGAGAAATTAATTGAAACTGGGGACAGTGAACAAATTTTCAGAAGGCAATTCAGAACAAGGGCG
AGGACAGGTCATGGACACTTTAGCTGAAATTCACGAGCGTCACAGTGCAGTTAGAGAACTGGAAAGGAAGTT
ACTCGAGCTACAGCAGGTATTTCTCATACGGCAGTATTGGTGGAGGCACAAGGGGATATGCTCGACAATATC
GAATCACATGGTACAAGTGCAGTAGATCATGTGCAACAAGGGAATACTGCTCTTCAAAGGCAAAGAAGCCT
ACAAAGAATTCTAGGGAAATGG

>trans_s_1576 AF410269|Arabidopsis thaliana At1g52220/F9I5_10 mRNA, complete cds

ATTCCATATTCCAAAATTTAGAAGAAAAAAAACCTAAAAATCAAATCTTGTGGTGGAGACCGAGGGAAGAA
GCCACCAACGCCTTATCTTTCTAGAGGTTTCGTCAATCCAAGGCCAGGAATTCCAATTAATTCCAAATTTTTGATT
TGGGTGTCTAAATTTGAGCTCAAAGTTCATTGATTTACCTTCTACTACTAATCATGGCTTCCATTGTTGCTAC
TCTACCTCCGCCATTGTTGGCGCCCCGCAAAAGCTTTACTATTTTGAACATTTCTCAGAAGCTCTCTGTTTTATC
CACTGCTAAAGGACGTTGTGGCAATGTTGTTGTAAAGGCTGTCGGAGGCAGCTCTGAGTCTTCTACTTCCCTT
GATATTATTAAGTCTGTTGAAATGTTTGGGATCAACCTGAAGACCGATTTCGCACTTTTCGGCCTGGGATTGTC
AGCTGTAGCAACTGCATGGACAGCAACAAATCTTGTTACGGCCATTGACAAGCTACCACTGCTTCCAGGTGTA
TTAGAATTCATAGGAGCACTGGTTTCTTGGTGGTTTGTGTATCGCTACCTCCTGTTCAAGCCAAATCGGGAAGA
GCTTTTGCAGATAATCAACAAGTCAATATTAGATGTATTTGGACAGTAAAATTGGCCGATTGACCAATCTTC
ATTATATTCCATTCTTTTTTACAAAGTAATGATAATGAAAGAGGGTTGGTCCCATTCAACAGTCAAGTGTGAAT
TTTTAATCAAGTTGGTGTGTTTGTTCATCAATGTATTGCAATCCCAAATCTTCAATCTCTGCAGTCTATGTTTAT
GTTTCAAATTTCAACACTTTATTTGGTAGGATTTAGAAAGACGTTGCATACCCGCAATGGTATGGGGTTGTAA
TTCAAATCTATGTTTTGATTGACCTTACCANGGTTTGGTTTGTAAATATAAACTAGAGGTACAAGGAAAAACCA
CTCTAACCGACCAAAATCGTTTGTTAGTTTGGATTGTAATCGGTTGATTGGCGGTTTCGGTTGAAAATATGTC
AA

>trans_s_1577 NM_106112|Arabidopsis thaliana ATHVA22A (ATHVA22A) mRNA, complete cds

CGGAATCACTGAGAGAGATTCTTCAATGCAGCATATGACAACTTGTTTCCGACCTTTGGACATTGCAAACCTC
AACAACCTCCGACCACCGCCCGCTTGCATCTCCACCAGCCCTTTCACAATCAGACAAATACTGGGACGTTGCT
GCTATACCACAACCACCTCAAATTCGTCCTAGAGTTTCGAGCAAGACGAGGGCAAGCGACTGATCCTCAGGTA
TTGCAGAAAGGTTGCGTCGAGAAAGAATTGCAGAAAGAATGAAGGCCTTGCAAGAGTTAGTTCCTAGTTGCA
ATAAGACTGATCGAGCGGCAATGCTCGATGAAATTGTGGATTACGTAAAGTTTCTTAGACTTCAAGTTAAGGT
TTTAAGCATGAGTAGACTAGGCGGGGCTGGTGCAGTGGCTCAACTTGTGGCCGATGTGCCGCTATCATCAGT
CGAGGGAGAAGGCATTGAGAGTGGTAACAATCAGCAAGCATGGGAAAAGTGGTCAAGTGATGGCACAGAG
CAACAAGTAGCCAAATTAATGGAAGAAGATGTGGGAGCTGCCATGCAGTTCCTACAATCTAAAGCTCTATGCA
TCATGCCATCTCATTAGCCTCAGCAATTTTCAGGACACACCAAGCAGATCCACAAATCTTAGTCAAGCCAGAA
ATGAACACTCCCTAGATCATGGCCCCGGTGATGTTGCAAGTAGCACGTGCTCCAATCTCATACTCGACAATCGT
GCTAATTTGCTCTATCTTTTCTAATTATGAATTAATCAGTATAATATAATCTAGTCTTTCTAATTTTCTTGATT
TATGAGGCATATTCAAGTAAATGCAACTGTTTTAAGCTTGAAAATTGTACTTGAAGTGCTTCTTCTTGCCAAG
CTCAAGTTTGGGGAAAGTGATTTTCAAAGCTCAATTGGTGTCTCACTTGTGTTTNCATGGTTGAGTTTAGCG
GTAAAGGACCGAAATAGTTTAAGGGGAACATTTAATAGAAGGTCCAAACTCAGTCTAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1578 GQ226039|Carica papaya zinc finger protein mRNA, complete cds

TGGAAAGTCCAAACCCTAACCCCTAGCCCTGTTCCCAATCCCTTCCTCTCCTTCACATCCGAGGCATTTCCACCTT
TCAGCACCGGTGGCGGTGGGAATGGCGGTTTCCCTATCATATTCTCTACGACATCTTCATCTGGTGGCATTGG
CGGTGGGGGTTCTATGATGAATGATCTTTCGGCGCTATTGGGAGGCGGTTCTCTTCGATCGTCGTCGTTGCAA
AACCCCTGACGGTTTTAATCCCTTGCTTTTTCTCCAGAACTATCTTCAAAGCGCTAATGTTCAATTGGTAATCCAA
AACGCTTCGGGAGAGGCGTTTCATCCCCCTTCCAATTTCAATCTTGGCGACTACTTCTTGGCCCCGGCCTTGA
GCAGTTGATTCAACAGCTTGCTGAAAACGATCCGAACCGATATGGAACCCCTCCCGCTTCAAAGTCGGCCATT
GAAGGACTTCCAGATATCAAGATTACGGAGGAATTGTTGGCTACGGATTCTTCACAGTGCGCTGTGTGTAAGG
ATACGTTTGAGCTTGACGAGGTGGCAAAACTGATGCCTTGCAAACACATATATCACGCAGATTGTATAATTCCT
TGGTTGGAATTGCATAATTCTTGTCCAGTATGTCGATATGAATTGCCACAGATGATCCCGATTACGAGCAAA
GAACTCGTGCGTCTTCAGCTCCTAATCGGAGTCAAAGCGAAAGTCAACCCTTGGGGATTCTTCCACTGGTGG
GGAAAATGTTGTCGGAAGCGATCCTAATTCTGACGAGAACTCGCAGACTCAACAAATGGGAGAGCGGAGGG
TTAGGAGGATAGCTTTTCTTGGCCCTTCAGAGGGTCAGCTGCTGAGACTAGTAACAGTGGAGGTGGCAACA
ACAGTGGAATAACGACGAACCTAGCTCCAGAAATAGGGGAAGCCAGAGTTCTTCAGAGCCAATGCAGGAA
GATCTCGATTGATGATTACTGAACGGTCCCCCACCACAGCTTCTCTATTCTTGGTTAGATTTTGATATTGCTG
GCATGAGGAACCTC

>trans_s_1579 AF399920|Camellia sinensis beta-1,3-glucanase mRNA, partial cds

TTTGGTGGAGCAAATGAACCTGATGCTACAATTCAAATGCTGGCACCTATGTTAGCAATCTGATCAGGAGAG
TTTCAAATGATTCAGGTCCACCTAGTCAGCCAACTATTCCAATCAACACATACCTTTATGAATTGTTAATGAAG
ACAAGAGGCCAGGCCCCGATTTTCGGAAAAAACTGGGGTATACTTTTCCCAATGGATCTGCTGTTTATCCTTTG
AGTTTAATGTCTGGCCGTGCAACAGCAAATCTTCTGAAGTTTATTGTGTGGCTAAAGATGGGGCGGATGAAG
ATAAGTTGCAAGACGGCTTGAATTGGGCTTGTGGACAAGGAGGGGCAAATGTGCGGCAATTCAGCAAGGG
AGGCCATGCTTTCTCCGAATAACATTACTGACCATGCTTCTTATGCATATAATGATTACTATCAGAAAATGCGT
GGTGCTGGTGGAAACATGCGACTTTGATGGCACTGCTACACTCACGACGGTAGATCCTAGTCATGGGTCTTGCA
TATTCACGGGAAGTTCAAATTCAGTGGAGGAGGTGGATTTTCTCCTCCAGCATTGGGGCCTTCAGGTCAGCT
TCCTGGTGCAAGTTCAAAGTTGCAGATGTCTTCATTCAGCTCTTCATTTGGTAATCTTTCTTGGGCTTTGAT
GTTTATTTTACATGAAAAGTAGATTGTTCTTCAACTTCAGTAGCCAATACCATTCTTCAGATTTCGTAATTTATT
GAGCACAAATGAAGAGAGCATGATCTCTTCAACACACCTGGTTTAAATGTTTCATCACATGTAAGTGTTTTGTT
TATTATTGTTCAATTTGTAGTTTGTAACTTACTCTTCTGAGGTGGTAGTAAGTGGGTTTAGCTTATGATTAATTTA
TATTATTTTGGAAATTAATACTTCCCATTTTTGGTTATGGAGGGAAATTTTATTGAAAAACCAGTCCATGATCTT
TATCATCTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1580 NM_001125687|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L4/L1 (RPL4D)
(AT5G02870) mRNA, complete cds

AGAAGTCTTCTGAGAAGAAGAAGGGTTACGTTCTTCCAAGGGCGAAAAATGGTCAATGCTGATTTGGCTAGAA
TCATCAATTCCGATGAGGTTCAATCTGTTGTTAAACCCATCAAGAAGGGTGTGAAGAGACCTTCATTGAAGAA
GAACCCCTCAAGAACCTTAACGCCATGTTGAAGCTTAACCCATATGCTAAGACTGCAAGGAGAATGTCTTTAT
TGGCTGAGGCACAGCGCGTGAAAGCTAAGAAGGAAAAGCTTGACAAGAAGAGGAGCATCCCGAAGGAGGA
CGCTGCAGCAGTAAAGGCAGCAGGCAAAGCATGGTACCAGACAATGATTTTCAGATAGCGATTACACCGAGTT
CGATAACTTCTCCATTAACCATGGTGTCTCACAGTGATTTCTTTCTCCTCTTGATATTTTCATAGACCTTAGT
TTGTTAATTAAATTTTGTATGCTGTTGTTGCTCTTTCTTGTGTTTGTGTCATGGAGGAAATTAGGTCGAGGAAT
AGTCAATATTACACACAATGGAATCACGAGCTTGAGCGTTTCTCCTTTTTGCCTCCTTTCTTGTCTTGGTGGT
GGAAGAGTATTTACTTTTGAAATGAAATTGAACATCTCAAGAGCTTTAGGAAAATCAGTTTAGTTTTTGGTA

TCAGTAATTTGCACTGAGGTTTACACTTCTAATCTTATATTTAAATTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCGAAAAATTTTCAAACCCCCACCCCCGGGGG
GGCCGGGACCCAATTCCCCCAAAGGGGGGCGAATTACCCCGCCCCCGGGGCGCCTTTTAAAACCGCGG
GGCGGGGAAAACCCCGGGGTTCCCCACTTAAACCCCTTGAACAAACCCCTTTTCCCCGGGGGGTAATA
ACGAAAAAGCCCCCCC

>trans_s_1581 NM_114904|Arabidopsis thaliana MES10 (METHYL ESTERASE 10); hydrolase/
hydrolase, acting on ester bonds / methyl jasmonate esterase (MES10) mRNA, complete cds

ATTACCAATAGCATACACTATAGAGATAGAGAAAGCTAACGATGAATAATAATAATCTTCACTTTGTGTTTG
GTTTCATGGGGCTGGCCATGGTGCCTGGTGTGTTCAAACCTTCTCAGCCTTCTCCGCTCGGCCGGCCACCATG
CTACTGCCATCGACCTTGCCAGCGCCGTACCGACCCGACCAAGTTGGATGATGTGGCATCTATAGAGGAGTA
TGTTGAGCCGTTGATGGAGTTTATTGAAGTTCTTCTCTACAACAAAAAGTGGTTCTTGTAGGACATAGCTATG
GCGGATTGTCGATCTCTTTGGCTATGGAAAAATTCGCACATCGGATTCTTGTGTTCTGTTTTGTTACTGCTTATA
TGCCTCACTTCCTTTACTCTCCGGCTACTTTATTACAAAAATTATTTAAGAGCCTTTCGGTGGAGACTTTGATGG
ATTGTGAATTTAAATTTGGCGATGATCCAGAAATGCCAATTCTGTTGTTTATGGTCACAACTTTTGAGAGAA
AAGTTATATAAGAATTGTTCCAGGAGGATATAGAGTTGGGGAAATTGCTGGTGAGGCCATTCAAGATGTTTT
TCGAGGATTTATCCAAGGAATCCGTTGTAACCGAAGCGAAATATGGGTCGGTTAATAGGGTTTTTGTGTTCTG
TGAAGGAGATGAAGTTATGGAGGGTAGATTCCAAAGTTGATGATAGAAGAAGTTCCACCAAAAAGCTGTGA
AATATATTTATGGAGGAGGCCATATGGTTATGCTCTCAAACCCACCCAACCTTTATCAACATTTGGTTGAAGTT
GCTGAAAGTTTAAATTTCAACAAATCAATGTAATGACGACCATGATCAAGTCTTTAGTAACCTTTGATATATAA
ACTAGCTGTGTCCTTAATTAATATCCCTTTAGTTACAACCTCCCTACCAAATAAAGATGGTGCGAGCAATATAAT
TCTCAGAAAAAAAAAATCAAGAAATTTCAATTGCTAAGCAAATATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1582 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TGGCTGAATGGTTAAAGATAAACCAGACGCCGTGGCGAATTCGTAGTTCAATTCCTACTGGATGCACGCCAA
TGGGACCCTCCAATAAGTCTATTGGAATTGGCTCTGTATCGATGGAATCTCATCAGCCATACATAACGAATTGA
TGTGGTATATTCATATCATAACATATGAACAGTAAGAACTGGCATTCTTATACAGACTCGAACTCATAGGGAA
GAAAATTTATGGATGGAATCAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATA
TACTTTTAATGTGCAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTGCAACTCTTCTTTGGTGTCAAG
GTAATAGCTATGAATAGTCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGGGACCTATTATGGGACATACAATG
CATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAAAT
CAAAATACTTAATAGCATGGCGATACATTTATACAAAACCTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGAC
AGTCAAGTAAAATCCAATCCACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGTCGTAATGCCA
GAGGAATCATTACCGCAGGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTACCCGCTCGGGGATCAATC
CGTCCCCCTCACGATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATA
CACTATGGGGATGGTGAGAAAAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTGTTTCTG
GTACAGAAAGTTCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGACCGATATATTTCCGAATGTAATTGCGTGCGGT
GCGAGGGCTGTGTCTCACTGATCGAGCGCTCTTGCGCCGAAGATGAACGGGGCTAAGCGATCTGCCGAAGCT
GTGGGATGTCATTTA

>trans_s_1583 NM_001050923|Oryza sativa Japonica Group Os01g0772000 (Os01g0772000)
mRNA, partial cds

ACTTTATTACATAAGCAATGTTGGATTTTGGGGCAACCAAGGGGAAGCAAGAAGTGAAGTCCTTCCTCTCCAC
ACTCTCCATCTTCTCTCAATTTCTAGGGTTCTTCATTTTCTCTCTCTCTCTACTGAAACCCCTTCCTTTCATTCA
ACATGTTCAAAACAAAAGCTTCAAGAACTCTGTCATCGAAATCTTACAAATTACCTGAATACTCAGTGGTTAAA
CAAGGCCAAGACCACGACCCACGTTTTGAAGCCACTGTCACCGTCGACGGCAAGCAATTCTGTTTCATCCACTC
CTTCTAAATCTTCCAAGCAAGCACAGAACGATGCTGCTAAGCTTGCTTTGACTTCTTTTCTCTTCTTCTTACC
TCAACCGTCCCAGCAGCTTTGCCCTCAACCAGTTTTGCCAGAATCCTCTTCTCCCCGAACTAATTCCTTCTATT
CTCCCATTTTCTCCCCCTCTCTAGATTTATCTTCTTTTCTCAGCCGTCTTTGCCCTTCGCAATTGGGCAATTTTGG
TGCGATAGCTAACCTGGACAACAAAGTTACTTCCCCACCGAGACCAGAAGTAAAGCTTGAGGTGGCAAACAA
ATCTTCTGAACCTTAAGGAATCTAGTAAAGATTCTCCCATCATGAGTAATATGGACGTCAAATTTGCAGGACAGT
CAGTTGAACCAAAAATTCTGAACACTGACAAGTCTCCCGTGGTTGAAGACTTCGACAAAGAATGCCTTAAATT
GACTGGTATGCAACATTTGTACAAGAATAAGCTGCAAAAATTTCTCCAGAAGAGAAGCCTCACTTTACCTATGT
ACACATGTGAGCGTGATGGCCACCCCATGCTAGTCGCTTCAGATGTAAAGTGGAATAGATGGAAGACTT
ATGGAAGTCCAGAATTTTCATGGCACATTGAAAGATGCTGAAAATGCAGTTGCAAAAGTTGCTTTAATGTGTTT
ATGTCAAGATGGGAGCTCAGAGGATTCTGATTCTGGCCTTTACAAAATCTCTTAACAGAGATGGCCCCAAAAA

>trans_s_1584 AY050443|Arabidopsis thaliana AT4g15470/dl3775w mRNA, complete cds

GGAGAAGAAATTGTGATTTTCAGGGAGAAATTTTCTCGGGAAAATCGGCAAGAAAATTTTGGAGCAAGAACG
AGAGAAATGTTTCGGGTACACGGGCGTGAGCAACAAGGGTGGAGAAGTAGACCTAGAATCTGGAGAGACCTT
GTATCCAGGTTTGAGCTATGGCGAGAATCAGCTCCGATGGGGTTTCATTCGTAAGGTCTACGGAATCCTCGCG
GCGCAGATCGTCCTCACCACCATTGTCTCCTCCGTCACCGTTTTGTACTCTCCGATCAACGACCTTCTCCGGGGA
AATTCTGGCCTTCTTCTGTTCTCTGCTTCTTACCCTAATTTTACTTTGGCCCATGTACATTTACAGGCAGAAGC
ACCTCTGAACCTTGTCTTCTCGGAATTTTACGGCTACACTTAGCCTCACAGTTGGTGTGAGCTGTGCGAAC
ACTGATGGCAGGATTGTGCTGGAAGCACTAATTTTGACCTCAGCAGTAGTTTCTTCTTAAGTGGGTACACCTT
CTGGGCCTCCAAGAAGGGCAAGGACTTCAGCTATCTTGACCATTTTGTACTGCTCTAATGATTCTCCTCCT
CACTAGCTTCATTCAGGCATTCTTCCCTCTCGGTCTACTTCCACTGCTGTTTACGGTGGAATTGGTGCGATAAT
ATTCTCGGGGTACATTATATACGATACCGATAATCTGATCAAGCGCTTTACATATGACGACTACATATGGGCTG
CAATCACCTATATCTTGATATCCTGAACCTGTTCTCACCATTTTGC GGATGCTGAGACAGGGAGACAATTAG
GTGGACAAAGTTTTCTCTACCTGAATTCAGGCTCAATCGTTCAGCTGCTTATTATATATATATGTATGTTTAAAA
ATAATTTTCGGTTAAAAAAGTACATAATACTCTGAAGTATTTTCATGTTGTCTTTTAGTTCTTATTGTGACTGAA
TGAAGTTTGATATATCAGTTCAATTTGTCCAGCTAAATTGACTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_1585 NM_001063520|Oryza sativa Japonica Group Os06g0182500 (Os06g0182500)
mRNA, complete cds

TGATCAAGAGGAAGTTGATTATGCTAAGGCAATATCACTCTCAGAAATGGAAGTTGTAAAGCGGGAAGCATT
GATCATTGAGAAACAGAAGATGAAAGCCATCACATCCCAAATTGAAGAAGATGAGGAGCTCGCCAATGCAAT
GCAACTGAGCTTAGTCCTGGAGTCTTCTTTCAAACGACAGTGACATGCTTCTTCTCTCGACCTTTCCTGGC
CTCTGAATCCAAGATACTCTGTGCTGGATGCAACGCCGAGATAAGCATAACATGAACATGTTTTCGAAAATAAT
GGTATTGTTTGGCATATAGAATGTCTCATATGTCATACTTGCAAACGACTAATCAAAGATGATGAGGCAGCTTT
AAAGGAGGGAAGAAATCTGGGACTTCGTTAAACTTGTGGTATCCTAAGTAATCTATCCCCAACTTGTTGATT
ACAAGTCCGATGATTTGTGACAGTTATGCATGTCTGAAAATCGACCTTATCACACATCTTGCCAAGGAATATG
AGGCATTCTAAATGCTATGTATGCAACAACCTTGTAAGTAATTTCAAGTCTTCAATGATTGTGATGTTTGCATAT
CGATTCTTCTACTAAAATATCAAGCATAGTATCATATCAGTTAAACTTAGTTGGCCTAGATGTACAAGTAAGA
AAAAACTTCAAGAGGTGGTTGAAGAAGTGCTCCTCTTTTCGTCTTTTGTGAGAAAAACAAAGTGCTATAGCA

TGCTAGACTTTTAGCTGTTCTTTGGGGTACATGGATAGAAATAACAGAATTTCTAGAGAGGTGGAGAGATCGA
GCGAGGAGGTATGGAAGGGGGCTAGGTTTAATACCTCCTAGTGAATGTTTCGTTAATAGGCTCTTTTGTAAGTA
TGGCCTTGTTTTGATCTGGTTGGATTGGAGTGCCTTTTTGTAGTTAGTTTCGATTTATTGGGTCTTTCTAGTGG
ATTTTTTTAGTGTGCCCTGTATTTATTTCATTTTTCTCTCGATGAAGCAGTCTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_1586 BT003128|Arabidopsis thaliana At1g44770 mRNA, complete cds

ATTGAAGCAAGGTTTGTACAGATGAAGGGCGGCCATGGCGCTCTGGAGGTGGCCAAGACGGTCATCGAGGT
CGCAGATGTGGCTTGGTCGGCGATTGAGTGTGGCCATCACCATAAACCCAGCCATGATTCCGCTGAGCGCATT
CTTACAGAGGAAGAAGAACTTGATGCTCTGCGATCTGAGAATCGGAGATTGAGGAAGTTGCTTGAACAAAAT
CTCGACCTCCTTCAGAACATTTCTGAATCTCACTGTTTGCTCAAGGATTTCCCTCCCGATTTGTACGCTCGTCTC
GTTGCGACAGTGGATTCTGAGAAGTTCTTAAATGAAATTAATCCCTCAACGAAGCATCAAAGATGGAATTA
GCTATGAATTTCTTTTCAGGGAAGCTACAGGAGCTGATTCGCACACAGCTGACATTCTTGTGAATGTTAGCCGT
GAAGCACCCAGTTGGTGGGTATGGGTTACTGAAGATATGGTCCCGAACAAAGTTGAGGAATGGAGTGGAATT
GATGATGAAAATTATGTGATTGTATCTGAAGAACATGTGGTGGATGCAGTTGCCCACTTTATGGCTAGATGTA
TTATGTCAAACCCAAAAACCCGGAATATATCACCTGAGGAGCTGCAGAAAACAATAGCTAAGGCACTTGATGG
TATGGGCAGCAAAGTGGAGAAGATGTTTGAAATTTGGCATGCTGGGCTGCTGTTTTATTCCTTAGCCACTTGG
GGGCTTGCACTGGCCGGCTTGACAAGGGCCGGGCTATATTGAACTGGCTGCCGCTGGTGTTCACCATACG
AGCAAAGTGGTAATGAAGGTGCTCTGAAGAAGCTAATGATATTCATCAAATGTATAATACCGCTTGGGGTTCA
TTTTTCTTTCTATCAAGTGATGTAAATAACTTTTAATATTTCTATGGTATTGTTTTTTCTTTTTCTTCTTTTGG
TGATTTGTTCTTTTGCAATTGTGTTGATTACTATTAATAATTGTAAATCTTGTACAGTTGCTTCATTCCAGTTATACA
TTATGTTATT

>trans_s_1587 NM_105555|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein
(AT1G68810) mRNA, complete cds

ATTTGTGACTGGTCTATTGCTAGAGCCTAATGACCATCACCATGGTACACATGAAGTTGCGGAATCTATGCTTG
CTGTGTCAAAGGATCATATTGAGGTTGCGATGGCTGCCAATTTGAGAGACTATATTCTAACCAATTTTGAAGG
AAAAGAGGTGAAGGGGTTAGAAGTACTGACTCATGATAGATCTCCAGTGGCGTATGCTTCTTGCCCCACAGA
AACTGTAAATTATGTTTCTGCTCATGATAATGAACTCTATTCGACATTGTGAGTTTGAAGACTTCAAGGAACA
TTACCGTAGATGATAGGTGCAGGATTAATCATTTGGCCACCAGTATTATAGCATTATCACAGGGAATACCATT
TTCCACTGTGGTGATGAATTACTACGCTCAAATCAATGGATCGTGATTCATACAACCTCTGGTGATTGGTTTAA
CAGACTTGACTTCACTTACATGACAAATAATTGGGGCGTTGGCCTTCCTTGAAAGAGAAGAATCAATACAAC
TGGCCGCTAATAAAACCTAGACTGGCTGATCCCTCCTTCAAGCCTAGTAAAAGTCACATTCTTGCTGCTGTGGA
AAATTTCACTAATCTGTTACAAATCAGATACTCTTCACTCTTTCCGTTTGAAGACATCTCATGCTATCCAGAA
ACGAGTTCGTTTCCACAACCTCAGGCACGTCACCTATACCCGGACTCATAGTGATGAGCATTGAAGACGGGCAC
GAAGGCATTCCCGGGTTAAGTCAGCTAGATTCAACCTACTCGTACATTGTTGTTGTGTTAATGCACGTCCAAC
TGAGATTTCAATTCCTTGCTGCTGATTGCGGGCAAAAACCTTCAATTACATCCCATTCAGTTGATGTCAACCGA
TCCCATTGTAAAAAATTCAACATACGAGCCATCCACAGGATGCTTCGTAGTGCCTCCAAGGACGACATCAGTA
TTTGTGGAGCCTCGGATACATGAGTAGCCTCATTCCCTGAAATGGTACTCCCTTATGTCTATGTCATCCAGAC
TAACTG

>trans_s_1588 XM_002886249|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

CAATAACTCGGCTTGCAATTCCATTACATGTCTTCGGCTGTCCCCACAATTTTCATGCGTATTCAGCCAGATAAAA
CTTGGTGCATTTGTTTGGGCGTTTTTACTTTTCTCCAAGTGGCCATTCTTCTTCTCAGCACTATTTTGGATCCCCG

GTGGTTCATCCCCCGTCAGGTTCTACCTGAGAAATACAGCTACTACCGGAGGATAGATCAAATGGGAATCAT
GCTACAGATTGTGTCAATTTGCATGACAACCATAGACGTTTCACGCCCTAACGATTGCATGATTACTCCATGTGA
TCATTTCTTCCATTCTGGTTGCTTACAAAGATGGATGGATATAAAGATGGAATGCCCACTTGCCGCCGTTTGC
TGCCTCCTGCCTGATCGTATCTAGTTGTATCTACATTTATTTACAAGTCAACTGACATTTCTTGCCCCAAAATTT
TGGTTGGGAAAACAAGGGCAGATTTGAAGCAGCTTTAAGATGTTATGTAGAGAGTTACAATGTTGGGCTTCA
ACAATCACATCCAGTAGCTGATCTGTATTGTTTGTATAATGTATATCTTTTCTGTACATTTGATACGATATCTGT
AGTTGAATAGGTAGTAGAAGTGAGTGAATCTCTTCTTACGTTGAATCTTTTGTATTATGCTTAAAATAATAAAG
TAACATTAGCTCTTAACTTGCACTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCC
CCCCCAAAAATTTATTAACCCCCACCCCGGGGGGGGGCCCGGGCCCAATTCCCCCTAAAGGGGGGCG
AAATACCCCCCCCCCGGGCCCTCTTTTAAAACCCCGGGGGGGGAAAACCCCGGGGTACCCAAATTAATC
CCCTTGAACAAATCCCCCTTTCCCGGTGGGGAATAACAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTTCCCAAAAT
TTGCCCC

>trans_s_1589 NM_125196|Arabidopsis thaliana ATPase activator/ chaperone binding
(AT5G58110) mRNA, complete cds

ATTTTGCAGAACCAAAATAAAAGATAGTCTCACATGGGCCATCATCTCAAAGCATAGATTCATCACACCGAT
CCGCGAGCCGAGCAGAACGTTGAGAAAAGCCTAGTTGAATCTCGTGCAATTTATACAAACAAACATCAACCA
AATTCTTGTTTTCTCTCTGTAATTCATAATCTTCACGAATCTTCTCCGAAACAGAGTGATACAGATTGGAAC
AAGCTTTTCTTTATTTGGTTTGTGATGGAGAATGGAGGAGCTGTTTCGTCAGAGACCCAACAAGGTGCCTCTT
ACACTTATTGGGTAGGGAAACGCGCCAAGATGCAGCTCCACTTCTGTTCTCGCAAATTTCTGCTGATGAC
ATTCTCGCTTCTCAAGCGTCTCAGCCTCCACACTTGGCTCCGTTTGAATCGGGCTGGAACCTGGGAGGAGA
AAAACCTGAATAAATGGGCAACTGATAGAATGAAGGAGTTGCTAATGTCAGTGGCCTCCTTGGAGTTCTCCAG
TGGTAAAGCAGAAATAGCGGATGTGTCAAATGTGTTGGGGATGCTTTTTTAGTGACCGTCCGCAACAAGAA
ACGTGTTGGTTATACTTATGAATTGACATTGAAAATTAAGGTGAGTGGACTCTAAAACAGGAGAAGAAGAT
CGTGAAGGGGCATATAGATGTCCAGAATTCTTTCCGTGAGCTAGATGACTTGACAGATGGACGTGAGACT
GAGCGAAGAGAAAGATCTTCTGGGTGAGGATAAGTTTCAGATTTGCCAAGATTTGAAGCGATTTTGCAGCCT
GTTCTGTAAGGTTGCTCCAATTCGAACAGGAACTCAAAGAAAGATAATAAGAAAAGTTAATTCTCAACATT
AATATGTACCAATTGTTATTGTACTCAAAGGTTGATTGGCAAGGATGTCTTATTGGATACCCTTTCAAGGATC
ATAAATTATTTGAACAAAGACCATATTTAGGGCCTTTGAGATGATAAAATTGTTATGCAACTTAATAACTTAA
TTTGTTCCGGAA

>trans_s_1590 NM_001056316|Oryza sativa Japonica Group Os03g0287900 (Os03g0287900)
mRNA, complete cds

AAAGAGAGCAAATATAGAAAAAGAAAAATCATCATTTTGGACGGGTAATTTATTTGGTCAAATATCGGGAATT
TGCCGCATCCTTTTCCAACGTTTTCCAGATCGACCGAGTTTTCTTTTCTCATTTCAATTGTATAATGCGAACTCC
GGCCACCGAGGCTGTTCTTTTCTCTTTTGAATACAATTCACAGCAAAAGAGATATTCCGGAGACTTCATTCAA
TCATGAGATTCCATATCTCATCTCCAATTTTCCCTTTTGTTCATCTCTCTTCTTCTGAACACAGCATCCCTC
CACAGAGCTGAAGTTTAACCCCTAACTGCCGACACCTTCTCCGATAAGATAAAGGAAAAGGATACTGTATGGT
TTGTGAAATTTTGTGTTCTTGGTGCAAGCACTGCAAGAATTTAGGATCATTATGGGAGGACCTGGGGAAGGC
AATGGAAGGTGAGGATGAAATCGAGGTTGGAGAAGTTGATTGTGGTTCTAACAACCAGTTTGTCTAAAGT
TGATATTCATTCATATCCTACATTTAAGCTTTTCTATGAAGGTGAAGAAGTTGCAAAGTATAAAGGGCCCAGAG
ATGTTGAATCTCTCAGAATCTTTGCTCTGAAGAATCTGAAAAGGCAGCAGCAAAAGCAGAAGAGGACAGTG
ACAAAGAATTGTGATGATAGTGTGGACTATATACACTTGATGCTCTTGGCATCCAGAAACAATCAATCTAGTT

GTTCTGAACTAGACCATTGATCATCATGGTCCTATTTGCACTATGATTAGAATGCTTAAATTTGGATAGAGAT
TTGGACCATGATCTCGGTGACATTGTTTGGCCCCCTCTGTTTAGACTTCTTTTTCTGACGTTTATTGTCTGGCT
GCCTTTTTGGGTGGGATATGCCAAAGAGAGGTAACAAATATGGGAAGTAGAGAATTTGTACTTAATAGTTTG
ATTATATATATACCTTAACTTACATTATATGCAGACTATTTATTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_1591 XM_002881351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At2g35450, mRNA

ACCATTATCTAAATGGTAGTGGCGGCGAGGCTCAAACCTCTTCTACTCCCTTCTTCTCTCCCTCTCTTCATTTT
CCCTCGTTGCCATTCCCATCTCCGCAACAATATTTGCATCTCAATCCATCAACACTAACCTAGTTTCAAGCTCA
AATGGCTTCTTCTTCTCATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTATGGCAAAGTCATCGATTACAT
CTCCACGTCTGGGCATCTCCTGAAGAGGCTGCTGCAAAATACCCTTACTTTCCAGGCCAAGAACCCACCTTGAC
TGGGCATGTTGATTTCTTGCTTCAGTCTATGGAAGAAGCAGGAGTAGATGGTGCATTATTGTCCAGCCAATC
AACCACAAATTTGATCACTCTTATGTGACCAGTGTAATAAATAAATATCCAAACAAATTCGTTGGGTGTTGCCT
AGCAATCCAGCCAAAGATGGAAGTGAATTACAGCAGCTCGAACATCTGTAAACAAAGGATGGATACTCCGC
TGTTCTGCTTAAATCCATACTTATGGCCGTCAGGTCAAAAGATGACAAATGAGGTGGGGAAAGCATTATTCTCT
ACAGCAGGAAAACCTGGGATTCTGTGGGTTCATGTGCATGAAGGGGCTAAGCCTTCATGTGCAAGAGATA
AAAGAGCTTTGTACAGAGTTCCCTTCAACCACTGTACTGCTTGATCACTGGGTTTTTGCAAACCCCCAGAAAA
TGAAGAAGATAGTCTTGCACTGTCCACCTTTTGGAGCTAGCAAGTTTTCCCAGATATATGTGAAATTCAGTG
CACTATTTAGGGTCTCAAGAAGGCCATTTCCGTAAGTGGATTGACCCGCTCCTCTCTCAGATTGTCTCAAGCT
TTGGAGCAAACCGCATCATGTAGGGAAGCGACTTCCCATTCGTTGTTCTTGAATGCGGATATAACGGAGCAAT
TGATGCAGTAACATTAATAGCCAATGAAATATCTCTTCTTCTGGCGAGTTGGAGTGGATTAAAGGCAAACT
G

>trans_s_1592 XM_002308681|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AGAAGGAAGAAGATATATATTATCTACCCCTTATCCCTAAACGTTTAAATTTAAATTCAGTGTTATTATTCTTC
AGTCTTTGAATTGATGGAAGAGGAAGAAAAGGGTGAAGAAATTTCTGATTTCTTCTCGCTGCCAGAAGGAGT
CGTCGCTAAAATCTTGTCGTTCACTCCATCGGATGCCTGTAGATCGTCGGTGGTTTCCACGACTTTCGTTG
CGGCGGCGCAGTCGGACATCGTGTGGGACAGCTTCTGCCTACCGATTGGGAGATTTTGTATTCTCGTCGGAA
ACCTAGCAACCTCAACTTTGATCCTATTTGAGTTTGAAGAAGGAGATTTTTTCTCCCTTTCGATACCCCTTT
GATAATTGACGACGGCAACAAGAGTTTTTCATTGGACAAATGGAGTGGTAAGAAATGCATAATGCTTGGAGC
AAGGGAACCTTCAATTATTTGAGTGATATGCCTACCTATTGGACTTGGGAACCTCATCCTGAGTCAAGGTTTG
CTGAGGTAGCAGTTCTTCTCAACGTTTGGTGGCTTGAAATAAAAGGAAAGTTAAGCTGCAAAATGTTGAGTCC
TGCAACAACCTTATGCAGCTTATTTGTGTTAAGATGGATGAACGTAGGTATTATGGGTTTGATATAGTTGCTG
CTGATGCAGCAGTGGCCATTGTTGATGGGGAATGTTGCTCAAGTAGAGTTTGTGGACCTTTCTAGACATT
GCTCCACCGAAGCGTCGACGTACACCGTGTGTTGAGAAGGAATCCACTTGGGAATAGCATGTCAAGGGCAAAA
CAGCCACAAGAGAGGCATGATGGATGGTTTGAAGTCAAGTTGGGAGAGCTTCANCATAATGGTGGAGATGA
TGAAGTTGAGTTCTTCTTAAGGAGGTTAATTGCAATTATTCTAAGAGCGGCCTAATCGTACAAGGAATAGAC
ATTAGGCCTAAAATTAGTCGTGATCTTGCATAGATGAATTCTTGTGAGTTTGTCAACCTAAGATTAGCTCCAT
GTATAAGACAT

>trans_s_1593 X14609|Cucumis sativus mRNA for NAPH-dependent hydroxypyruvate reductase (EC
1.1.1.29)

CAGAGTTGGCAGCTTCACTTTCTTCTGAGCTGCAAGAAGGATAGTTGAAGCAGATGAGTTCATGAGGGCAG
GTCGATATGATGGATGGCTTCCAAATTTGTTTGTGGAACTTGCTGAAAGGACAGACTGTTGGTGTGATTGG

AGCTGGTCGTATTGGATCTGCTTATGCAAGAATGATGGTAGAAGGGTTTAAGATGAACCTGATCTACTTTGAT
CTTTACCAGTCGACTAGACTCGAAAAGTTCGTTACAGCCTATGGTGAGTTCCTGAAAGCCAACGGGGAGGCTC
CTGTGACATGGAGAAGAGCATCATCAATGGATGAGGTGCTTCGAGAAGCAGATGTGATAAGTCTTCATCCAG
TACTGGATAAAACTACCTTCCATCTTGTGAACAAAGAAAGTCTTAAAGCCATGAAGAAGGATGCAATCCTCAT
TAACTGCAGTAGGGGACCTGTGATCGATGAAGCAGCCCTTGTGATCATTGAGAGAGAATCCCATGTTTCGA
GTTGGCCTTGACGTTTTTGAGGATGAACCATACATGAAACCTGGACTTGCTGATATGAAGAACGCGATCATTG
TTCCTCACATTGCTTCTGCTTCCAAGTGGACTCGCGAAGGAATGGCAACACTGGCTGCTCTTAATGTCTTGGGA
AAGATTAAAGGATATCCTGTTTGGTCCGATCCAAACCGAGTAGAACCGTTCCTCGACGAGAACGTTTCACCTC
CAGCTGCATCTCCTAGCATTGTGAATGCCAAAGCCTTGGGTAACGCCTAACAGAAACCTCCCTAACTGAAAAG
AATTGCCTACTTCAAAGCTGTGAAGCAGGAGGGTATGGCTAANAAATGTTTGAGCAGAAAATTGGAAGCATT
TAGATATGGGGGTTAATGGAGGTTGTATTCATGAATGTACAACTCTGGTCAATTGATTATAATGTGTATCTAT
CTTCTTTCGTGAAATGCAGTCCGTTACTTGGTTTATCACAATCGAATATATTAATTTAGTCGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1594 XM_002331063|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP81S3), mRNA

CAACAAAAATCTACCTCCAAGTCCACCCTCTATTCCAATTATAGGTCACCTCCATCTCCTTAACTTCCAGTTCAT
AGAACTCTACAACTCTCTCACAAAAGTATGGTCCAGTACTTTCACTTCGATTTCGTTTCTCGTTTGGTCGTCGTC
GTTACATCACTCGAAGCAGCCGAAGAATGCTTCACAAAAACGATGTCATTTTCGCAAACCGTCCCAACTTCGC
CGTGAGTCATTGCTTGAGTTACAATGAAACCACTCTTGGAGCGGCTCCATATGGGGATCACTGGCGTAAACTT
CGACGTGTGAGCACACTTGAAATACTGTGTTCAAGTCGTCTCAATGCGAATTACGAGATTAAGAGAGACGAA
GTGAGAAGGGCAGTGAAGAAGATCTTTGAAGTTTCAAGAGATCGATTTGCGAAAGTGGAGTTTAAACCATTG
GTGAAGGAATTGACGATGAATATAACAATGAGAATGGTTGCAGGGAAGAGATATTACGGTGAAGAAGCAGC
TAAAAGTAGTGAAGCAAGAACATTTCAAGCTATTGTTTCATGAGCTTTTTGAATTTACTTTGTCTTCATATCCAGC
TGACTTCTTGCCAATTTTGAAGTATATTGATATTCAAGGATTTATGAAGAGGGCAAAGAAGCTTATTGCAAGG
GTTGATGCATTTTGGCAAGGATTGATTGATGAACATAGAAGAGGTGAAATTAGTAATGAAGAAATGAAGAAT
TGTATGGTTGCTCATTTTCTTAACTTGCAAGAGACTCAGCCTGATTATTACACAGATGATATTATCAAAGGCTT
GATTTTAACAATGATACACGGTGGCTCAGACACTACTGCTGTGACAATAGAGTGCGCAATGACAAATCTACTA
AACCATCCATCAGTACTAAAGAAGGCAAGAGCTGACATAGAATCTCAACTTGATGGAGATAAATTGCTTGAAG
AAACCGATCTTTCAAATTAATACTACCTACGATGTATAGTCCTACAGACTCTTCGTTGTACCCAGATGACCCG
CTCCTACTGC

>trans_s_1595 AF009003|Pelargonium x hortorum glycine-rich RNA binding protein 1 (GRP1)
mRNA, complete cds

TCTACTCTCTTCTTCTAGGGTTCCTCTTTCTTCTCATTTCCATGGCTTCCTCCTCTGTTGAGTACCGTTGCTTT
GTGGGTGGCCTTGCTTGGGCCACTGATAGTAATGCCTTAGAGAAGGCTTTCTCTCCATTTGGTGATATCGTTG
AAGCCAAGATCGTTAGCGATCGTGAAACCGGAAGGTCGAGAGGATTTGGATTCTGACGTTTTCCGAGGAGG
ATGCCATGAGAAGTGCTATTGAAGCAATGAATGGTCATATTCTTGACGGACGTAATATTACCGTTAACGAGGC
GCAGCAAAGAGGTGGAGGAGGTGGTGGTGGTGGTGGTTACCGTGCGGAGGCGGAGGTGGATACGGTGG
ACGTCGTGACGGAGGAGGAGGTGGAGGATTAGCCGTGGTGGTGGTGGTTACGGAGGAGGTGGTGGTGGTA
TACGGAGGAGGTGGTGGATACGGTGGTGGACGTGACCGTGGTTACGGAGGTGGTGGTGGTTATGGCGGTG
GACGTGACAACAGGGGAGGTGGTGGCGGTGGATCTGAAGGTGGATGGAGAAATTAGACGGGGGATTATGA
TTTTTTTTTTAGCTTTTGGCTTCGAAATATTAGTGTGATGATGATAAGAAAAATCTTAGCAGGATCTTTCTTTC
GTTTTTCATTTTGTGGCTTTGTTCCGTGTTCCGTTTGGGTGCTCTTTTTTTGACCGATTACCGATGGGTTTCGTGTT
CCGATCAATGTTACCGATGATAAAAAAATTACATAAGAAAATGAAGTACAGATCTTCGTTCTCGCAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTCCAAAC
CCCCACCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCTAAAGGGGTCAAATTACCCCCCCCCTGGCCCC
TTTTAAAAACCCCGGGGGGA

>trans_s_1596 NM_001061693|Oryza sativa Japonica Group Os05g0310600 (Os05g0310600)
mRNA, complete cds

TCTGAGGGGGTTTAAGCTTTCTGCTCTTCTTCATCTCTCTCCCTAAGAATTTCTTATCATATTTAAATGGAATCG
TAATCCGTGTGATTTTTCTTCATAGTCCCGTAAGATGGGAGTGTGTCCAATAAGATTTCAAGGGAGGAATTG
AAACCGGGGGATCACATCTATTCTTGGAGGCAGGCCTATATTTATGCTCATCACGGGATTTTTATTGGTGATG
GAAAAGTGATCCACTTCACTCGGGGAGGAGGCCTGGAGATCGGCTCAGGAACGGTATTAGACCGATTCTTG
TTAGTTCATCTCCTCACTCTCCAGACAATCCATGTCCTGTATGTGGTGATCAGTCATTTGGTGATGGCGTAATCT
GTTTCGTGTTTGGATTGTTTTCTTGGTGGTGGAGATCTTACATCTTTGAATATGGTGTACGCCTATGTTCTTTC
TCGCGAAAGCCCGTGGCGGGACTTGCACTCTTGCTTCTTGATTTGTCTGAAGTTGTCTACATCGCGCTTCTT
TTCTCCTTCAAATGGATTTGGTATGTACAACATCTTCAAGAACAACGTGAAGACTTTGCCATCTATTGTAAA
ACAGGATTGCTTGTTTACACGACCCTCAGCGTTGGTAGGAGCGGACAGGCTGCATCATTCCTTGAGCCACGA
GTGCGATTGTCTCTTCACTTTCGATATTTAACCACAAGTTGTAGCGGTCTAGCGCTTGTGGGTGTGGGCAC
GTATTGTGTTAGTCGACTTGTCTTGACATTGGAGTGCGTCGTGATGTCGTTAAAATCCCGGTCGAGGAACCT
GTGGCTAGAGCTAGCAGCAGCAATGCTCCAGAGGAGGCAACACTAACGGCCAAGGAACAATAGTGTTATTGT
TGGCTTCGACTAAACCAAAGAATTGTCTTGAAGTGTAACCAATTCTTAATTACTCCCTTGAATAATTG
TATTGGAATTTGTATCCACATTGTTGAACTAACTTTGGTTATGTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1597 DQ118095|Vitis vinifera AlaT1 mRNA, complete cds

CAAGGAACTGCAACTTATTTCTTCCATACTGTGTGCGAAAGGATATTGGGGAGAATGTGGACAGCGAGGTGG
ATACTTTGAGATGACCAACATTCCTCCAAGGGTTTGATTACATCATAAGTTAATTGTTCAATTCTATAAGTTCC
TTTCAGCGTTTTTATAATACTCATGTAACTTCGATCTCATCCGATGCTGCAGACGGTCGATGAAATTTATAAG
GTTGCATCTATATCACTCAGCCCAAACGTTCTGCTCAGATATTTATGGGGTTGATGGTCAACCCACCTAAGCC
TGGTGACATTTTCATATGATCAGTTTATTAGGGAAAGCAAGGGGATCCTGAATCTCTGAGGAGAAGAGCAAG
AATAATGACTGATGGATTCAATAGCTGCAGAAATGTGATCTGCAATTCACAGAAGGTGCCATGTATTCTTCC
CACAAATTCGCTCCCGCCCAAAGCCATTGAGGCTGCTAAAAAGTTAGGAAAAGTGCCTGATGTTTTCTACTGT
CTCAAGCTCTTGAAGCCACTGGAATCTCACTGTTCCAGGTTCCAGGCTTTGGGCAGAAAGAAGGGGTGTTCC
ATTTGAGGACAACCATCTTGCCTGCTGAGGAAGACATGCCTGAAATCATGGCAAGTTTCAAGAAGTTCAACGA
TTCATTCATGGAGGAATATGAAGACCATAGGGATTATTCAAGAACGTGATCAGGCGGCTTCCATGTGTCTATT
TGAATTCACGATATAATTACTGTAAAGCTTTGGCAAGCATACATATCTAACCTTATTATAAGAACTCTATTGTTA
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTATTAAACCCCCAC
AACCCCGGGGGGGGCGGGAACCAATTCCCCCAAAGGGGGGTGAAATCCCCCTCCCGGGCCCCCTTT
TAAAAACCCGG

>trans_s_1598 AY095997|Arabidopsis thaliana At1g72820/F3N23_2 mRNA, complete cds

AAGCAATAGAAAAATGAAAACCTTTGGATCTGATTTCTGATGGGTATCACTAAAGAATTTTATAGGAAGTGT
TAACTTGGAAGTGACAATGGCAACAGAAGAAACCAATACCCGAATAGATAACCCACAGAATTATGGAGTTT
TGGCTTTTGGGTTTCATCTTAAAGAGGCTAATGTCTAAAAATGACCTCGACATGGTGATGGACACGTGTCCA

CCCTCTCGATCCTCAAAACCTCGCGAACCTCCATAAATCTTGTCTTTCTTCCTTCTTGAGCTCTTTATTTCACT
TCCTTCGCCTCCATTTCCGCTCTCAAACCTCCACTCTGCTTTCTGGGTTTTCTCTTTCCAATTAAGGAGTTTTTC
TGTATTTGGGTTTGTGATATTTGTTGTCGAAATCACCTGATTTTCATTGTTTCTCTCCTTTGCTTTGTTGGGATTG
TAACTTGTGAGAAGAAACCCCATGATCGTATTGGATTTTCATGGTGAGATAAGTCCAATCTCAGAATCTATTACC
AAAGGAAAACATTATTACTCCAATTATTGCTGTTATCGTGTCTTGACAGTTCAGTTTCTGATCTCCCCTCTTCGTTT
CTACGACACTTCTCATTTGGGTTTTTCTAGATTTCATTTTGAAGTGTTTTGTTTTGTTTTCATGAGTTAGTTC
TGTTAGGCGAGGTAGGAAGTGTATTACATAGTTTGGAGAAGGAAAGCGGGTGTCTGGTTTCCGGGGTGTTT
TGTGATTCAGTTTTAGAACTGGCTAAGATGAGCCTGGATGCAGCTGAGGATGAATCAACCTCTGAAATTCATA
TTCCAGCAGAGATTGATTGGGATATGTTAGACAAATCCAAATCTTTTTCTGGGTGCTGCTTTATTTTCAGGT
GTATCAACAGCCCTTTATCCTATTGTTGTTTTGAAACTCGACTTCAGGTTTCATCTACCAAGGTATCATGCTT
TAAAATGTCATATTCTATCATGCGTCATGAAGGCTTAAGAGGGTTTTACAGAGGGTTTGAACCTC

>trans_s_1599 NM_001068200|Oryza sativa Japonica Group Os08g0374200 (Os08g0374200)
mRNA, complete cds

ACCCAAGTCTTCCCTTCTTCGGCGGCAAGGAATTTGACTCTCCCGCGGGCTCATAGAACTTCTAATCTTTTTC
GTTTAGGATCTCCCTAATTTCTTGCCCTAATCTTCCCGTTGTTTCTTCGATCAGTTTTCCAGCCGGCGAATTAT
CTCCTCTTCAAGAGATGGCCGCTAAACCACTTACAACCTGAGGCAATTGCCATAACTGAGAAGAAGATGGACAT
GGCTTTAGACGACATCATTTAAATGTCAAAAATACGGGAAATAAAGGCAGGAAACAGAGAAGGTTACCGAA
CAAAATGCAGAAGTTTCAAATAATGCTACTCAAGATAGACCTAGGAAGTTGCAGCGATTTCATGGACTCTAGA
TCTTCTCTGAGACAGGGGGCTTTGGCCAACAGAAGGTCAAACCTTCAAGGGAATCAGTTTGCTTTGGCAACTG
AGGTTGCAAGAAAGGCTGCAGTTGCTCCTATTGCTCCTAGAGCTTTTACTCGTAGGGCACCCAATTGGAATAA
AACAAGGGTTGATGCTCCTCCACCGGTTCCGAAGAAGTCTTTCACCAATGGAATTTTGTCCCAAGGTATCCG
CACCGGCCAGCAGCAAAACAAATGCCACGCCAAGACAGAGGCCACAGACTCTAGACTCACTGTTTGCCAACAT
GAAGGAACAGAGGCTGAGAGTGTTATCACAGAGACAAAATGGGGGCGGCGGCGGCACAACAACAACGG
AATGGTGGTCGACAGCAAAGACCTCCTTGGGGGAAGAGGCCGTTTTGGTAACTGAAGAATACACAACCTCAAA
ACTGGTGCTATGAATAGCATATTTGTCCATGGCACCCGATAGCTGCTGATAGGGATCAAGAGGAATGTGATTG
TTTCTGTCTTTTTTTTTTAAAAAATTCAAACCTCGCTGGCTTGCTACTTTTAGCTTTTCTAGCTTCGCTTTGAAC
CGAATACTATAGGAATTTGATGCAATTTATGTAAAGTGTTCTCTCTTTTCTTTTAAAAA
AAAAA

>trans_s_1600 NM_127289|Arabidopsis thaliana pantothenate kinase-related (AT2G17340) mRNA,
complete cds

TTCGGGAGCAAGTACTTAGGGAATTGGGATTCAGAGATATATTCAAGAGAGTGAAGGATGAAGAGAATGCA
AAGGCTATAACCTTATTTGCTGACGTTATTCGTCTCAATGATGCCATTGAAGACGATAGTAAGCGTTTGGAGA
ATCTAGTTAGAGGAATATTTGCTGGGAACATTTTGTCTTGGTTCGGCTCAGCTAGCTGAAGTTTCTCAATG
GATGGTATGTCTTTCTTAGCGAGTTGTCAAATCTTGTTCCTCGTCCTTGGGTAATCGATGATTTGGACACCTTC
AACTAAAATGGAGTAAAAAGTCATGGAAGAAGGCTGTAATATTTGTTGATAACTCCGGTGCAGATATTATTT
TGGGCATTTTGCCATTTGCTAGAGAGTTACTCCGGCGCGGAACCTCAGGTTGTCTTAGCGGCTAATGACTTGCC
CTCAATTAATGATGTAACCTTATAATGAACTAATTGAAATTTATCAAAGCTGAAGGATGACCATGGACAACCTTA
TGGGGGTCGATACTTCTAACCTTTAGTTGCTAATTCTGGCAATGATTTGCCTGTCTTACCTTATTCGAGTAT
CCCAGGAGCTTAGCTACCTGGCAGCTGATGCGGATCTAGTTGCTTGAAGGAATGGGTCGTGGAATAGAAA
CAAATCTTTATGCTCAATTTAAGTGTGATTCACTAAAGATTGGCATGGTAAAGCATCTGGAGGTTGCAGAGTTT
CATGGAGGAAGACTTTACGATTGTGTCTTCAAGTACAACGAAGTTTCTAGTTGATGACATCCTTTGGTACCTCT
GCCCTCATTTTTTAAATATCATTAAATATTTGATCATCGTAGGATAGGTTCCGTCTGTTGCTTTAAAAATACCTA

GCTTTATTTATGTGAATGAACTTGAGTAGGTGTTTCCATTCCGTGATTATGAAGAGACGTGAAAGATATATTTT
TATATATTAGAAATTAGGAAAATAATAATATAAAAACATTCTGGAGAATTGTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1601 NM_148557|Arabidopsis thaliana defective chloroplasts and leaves protein-related /
DCL protein-related (AT1G45230) mRNA, complete cds

AATGTGAGCGACCGTTAACAGTTCCTTCTCCTCCGTTTTCTCAAAGAATTGGGAGAAAAGCCATGCTCCGAAAT
CGCACACTACCATTTTATTCTCGATAGTTGCAATTTCAAGCTCCTTGTCTCAATTGATCAAGGGCATGGCCATG
GCGTCCATTTTGACACTACTGCCATTTCCGCCCTTCACTCTCTAAATCCAACTTCTTCAACTCTTCACTACTGA
TCTTATGTTTTCTACACACCCAATCAATTCGTTTACCCATCTACTCGTGCCCTCAAACTGGCCCTGAAGGCA
GTAGAATTCGAAGCCATCAAGAATATAGTTCCGATTTGCTGCGGAAACCGGTTGTTCCACCGGCGAAGGATTT
GGCTGGACCATCGGAGGATGACGACAGCAGTGAGGAGAGTGGAATGACGAGGAGGAGGAAGTGGATTGG
GTTGATTGGGAGGACAAGATTTTGGAGGATACTGTTCTCTGGTTGGCTTTGTTAGGATGGTTCTTCACTG
GAAAATATGAAAGTGGGGATAGGTTGAGACCAGAACACGAGAAAACAATTCTTGAGAGGTTGCTTCCATATC
ATCCCGAGAGTGAGAAGAAGATTGGATGTGGGGTTGATTATATCACGGTTGGATATCATCCTGATTTTGAAAG
CTCAAGATGTTTATTATAGTCAGAAAAGATGGAGAGTTGGTTGACTTTTCATATTGGAAGTGCATCAAGGGT
CTGATCAGAAAAGAACTATCCTCTTACGCAGAAAGCTTCATTCTTAGGCATTTCCGGCGACGTAGACGCAATTT
GCGTCGGTAACACCTGTAAGATCTGTTAATCATACTCTTGTATCATTCAATTTCAAGGAATCTTTGAATATCAA
GCCTGAGATTGACCAACCACGCTTGTGTGGTTCTTGTGTTTAATGACTTGAAATTAGCAAATCAAGATGGAT
ATGGGGTGAATGTAGACTCTTGCTTAGTAAAATTCAATTTTGTAATTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1602 NM_105934|Arabidopsis thaliana ATTIM23-2; P-P-bond-hydrolysis-driven protein
transmembrane transporter/ protein transporter (ATTIM23-2) mRNA, complete cds

ATCTCTCTCTCCGCTTCAATTCTTCTCTCTTGGAGAGAATTGAGCGTAACCCTAAGCTTAGAACTCAAATCA
ACTATGGCGGTCCATTCTTCCAATCGCGATACTGATTGAGAGTTTGATCATAGCTCATCCCAACCGCGTCTTTAC
AATCCTTACAAGGATCTCCAGGTTCCATATCGAACTTCCAGCTTCCAACCTCCCCAGAGTTTCTTTTCGATGAA
GAAGCTCGCCGCCAGCGTCGATCTTGGGGCGAGAATCTCACCTTCTACACTGGTTGCGGTTACCTCGCCGGTG
CAGTCGGAGGCGCTTCTACAGGACTTGTATCCGGTGTTAAATCTTTTGAATCAGGTGATACTATGAACTCCG
GATCAATCGGATCCTGAACTCATCTGGTCATTGAGGCGTCTCTGGGGAAATCGGCTTGGCGTGATTGGGCTG
CTATATGCTGGTTTGGAGAGCGGAATTGAGGCTGTGAGGGATACGACGATGTCTGGAAGTGTGTTGCGGCC
GGGCTTGGTACTGGTGCGCTTTATCGTGCAGCAAGAGGGGTAAGATCGGCGGCGGTGGCCGGAGCTGTTGG
CGGTGTCGTGGTTGGCTTGGCGGTGACGGGTAAAGCAGATGTTGAAGCGGTATGTGCCGATATGATGTGGGG
AAATGGAATGTTTTCTTTGAAATTTGATCGATATACTTCGTGTTAGGGAGTCATAGTCATAGTTTTATATGG
GAACTGTGATGAGAATGGTGAGGATTGAATTAATAATTCACTTGATATTTCTATACGAGTTTAACTCGTGC
TTCTTCATTGAGTGATGTAATTCGTCGAGTTCTCTGATAATGAATAATCTTCAAGAATTTAGACTTGTGGTATG
GGAATGATCAAATTATTTCCATTACTTCTGATGATTTGGTTGTAAGTAATGAGATTATTTGAGGTTTGTTGCTTG
TCTTATTTGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1603 NM_120352|Arabidopsis thaliana nucleotide binding (AT5G02740) mRNA, complete
cds

GGACCCATAAACTCTTCTTCAACCTTTCAACTCGTCTCCTTCTTCGCGAAAAATGTCGAACCTCAGTCTCCTCCG
TAAGGCTCTTGGATCAAATTTCAATTTCTCGACCGGCGACGTCAAATCATGAACTTCTCTGTTTTTCCGCCAATC

TCCAAGATTCTTCTCCACGGAACGGGAACAACCCCCACCTGAGTCCTCCCCAATCGTTTTCCGATAAATCAA
ATACAGATGGTTTTATGTATGGAAAATTGTTTCGGTTTTCTCACGGAGTACTCTAAAAACGGATGTGCTCATTTTG
CTTGAAGGATGTAATTTGAGTTTGGATGATATCAAATTTGAATACAGTCGAAATTTCTTCCCAGTCTCTATGAT
GATCCAGTTCCCCTCCCAGCAGGCCTATCAACATGCTTTTCAAGCGATTGCAAGAAAAGGTTTCTTGACAGAT
TGGAGCGGGCTGATCGTTCACAGTGGGAGCTGCTTTCACCTTACAATGGAAAACTGTCTTTCTGCAAGGAAT
ACCTCGAAATGCATTGGTAGAAGATGTGGAGCGCTTCTTATCTGGCTGTGACTATGATGCAAGCTCAATCAAC
ATTTACAGGGGATCCTTTTCAGAGCCCACAAAAATGGCAACGGTGCAGTTCCTTTCACCAATACAAGCAATGC
ATGCATTTCTCACAAGAAGCAGAGGCTTTTGTCTGAACAACCAATTTCTATGCAAGTTCTCCAATAACTAGCA
ACTCTTATCATATCCTGACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGGCTCAGTGGCTGAGATTTTGCAGTAGGTCTTATAA
GTTATGATTTACAACCTCGTATCTAAGTCTCCAGTAGGTTATCCACATTCAAAGTGACCTGAAATCTTTCATTCC
TCACTTATTAGCAGTTTGTGCTAAAGAATCTGCTTTTGTAAAGGTAGGGGTTTCTGAACTTTGAATATTGA
ATTTATATGAATAATATAAGGTTGTCCAAGCTTCTAGTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1604 AJ457975|Lycopersicon esculentum mRNA for beta 1,3-glycosyltransferase-like
protein I

AATAATTGCTAGATTTGTCATTGGAAGAAGTCCAAACCGTGGGGACAGTTTAGACAGGGCCATTGACGATGA
AAATGGACAATATAATGATTTTATTATACATAATGATCATGTGGAGGCACCTGAGGAGCTTTCAAAGAAGGCC
AAGCTTTTTTTTTGCTTATGCTGTTGATAAATGGAATGCTGAATTTTATGCCAAAGTCAACGACTATGTTTATATA
AACATTGATGCCCTAGGGAGCACACTTGCCTCTTACTTGGACAAACCTCGTGTCTATGTTGGGTGCATGAAATC
TGGTGAAGTATTCTCAGAACCAGGCCATAAATGGTACGAACCAGATTGGTGGAAATTTGGTGATAAAAAAAC
ATACTTCCGTCATGCTTCTGGCGAAATGTATGTCATATCTAAAGCCCTGGCCAAGTTTATTTCAATAAACCGATC
TCTTCTCCGTTCTTACGCTCATGACGATGTCACGGCTGGTTCCTGGTTTATCGGGCTTGATGTCACATACATTGA
CGAGGGAAAGTTTTGTTGCTCTTCTTGGTCTGCAGGAGCCATTTGCGCTGGTGTCTGATTGATTTGCTTGAAGA
TCCTTGATGGGAAAAGCGGAAATACCAGCTTGAAGAGAACACATAACTAATTTATCTTTTTGAAGTCCTCGT
GTGTGGCTAGACGAAAGGCAAGAAAGCTTGGCATACTTCTGGTTTCTTACTTAACGCTGAGTTCTGGAGAGAC
TGGCTTGAGGTTCAACAGTTTGTAAAGATGTGCAACACAGAAAGATCAACAATTGAAGGGGAACTTAACCTCA
TTCTTTGGACTTCACCTCATCTTACTGACGTTCTTATATGTGATTTTGTGTTTATTTAGCTCCGGATGTATGTTA
ATTCTTTCAGGCGAGTTGGACCTTCGAGAAATATGTAGATTTAAAGGCACAGTTTATGAAGCACCTATTATCG
ACGATAACTCTCTCAAAAAAAAAAGTAAACCCTCCCGGCTGTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_1605 NM_001036307|Arabidopsis thaliana ubiquitin fusion degradation UFD1 family
protein (AT2G21270) mRNA, complete cds

CTAATCATATAAGTTTATATTTTCAATTTTAAATTTCTATCAGAAACAATAAATATAGAAATTGTTTGAGATAAAGA
AAAGAAAAATGAACTAACAAATAAATAACAATAAGAAAAAACAAATCTCAGCCATTTTGACGGATTGGATAT
ATATTGGCTTTGCTTCTCTCTACTCCAATTTCTCTCGTCGGAGTTTCCACAAGTCGGTCTCACCTTCTCTCAT
TTACGCCATTAAAGGTTTCGGGGTTTTGGGTGATACTCTGCAAGTTTCTGCACTATGTTCTTCGATGGGTATGGA
TATCATGGGACTTCATTTGAGCAGACATATCGGTGCTATCCTGCATCTTTTATTGAAAAGCCACAACCTGAAAC
TGGTGACAAAATCATAATGCCACCATCAGCCCTTGATCGCCTTGATCTTTACATATCGATTATCCAATGTTGTT
TGAGCTTCGGAATGATGTTACTGAACGACTTTCCCACTGTGGTGTCTCGAGTTCATTGCTGAAGAGGGAATG
ATCTATATGCCTTATTGGATGATGGAGAATATGCTTTTACAGGAGGGAGACGTTGTGAGAGTGAAGAATGTTA
CACTGCCGAAGGGAACCTTATGTTAAATTACAACCTCACACAAAGGACTTCTTGATATATCCAATCCAAAAGCC
ATCTTGAGACGACTTTGAGAAATTTTTCATGCCTGACAACCGGAGACAGTATCATGGTGGCATAACAACA
AGAAATATTACATCGATATAATTGAACTAAGCCTTCAAATGCAATAAGTATAATTGAGACTGATTGTGAAGT

GGACTTCGCACCCCCTTTGGATTACAAGGAACCTGAAAAGCCTGTTCCATCCCTCCCAACAGGCAAGGCTCCA
GTCCAAGAGGAGGAACACCTGCAGAAGCTGAACCCAAATTCAATCCCTTCACTGGAGTTGGGAGGCGTTTG
GATGGGAAACCATCTGCGCAACAGCCACCACTATCTTGGACTTCAATATCCAAAGACAAGCAAGTTGATACAA
GAACT

>trans_s_1606 NM_001073019|Oryza sativa Japonica Group Os12g0244200 (Os12g0244200)
mRNA, complete cds

CCTTAAGCCCACTACCAAGTACCAGCCACCTTCATCTCCATTCCCATCCCTCCATCTCTTTCATCTCGCATTTCT
CCTCTCGCATATCCTCTTTTGTTCCTCTTCTTCATCTCTTCGATCTCCACCGCCACGCCGGCCAATATCAATCA
TCTCCTCTTCTTCATCTCTCAGGACACTTCCCAATATCAATCCTTCCCAACATCAATCCCAAATCAAAGTAGCAC
AAGGCATGAACTTGAAGAAATGAAAAATTGAAAGATCATAAAATTTCAATCTTACGAACTTGAAGAGGAAAG
GGGAAAAACTCTAGCAGGCGTAGGAGAGCTGACTACGGAGGCAGGCGAGAGAAAAAGAAAAAAATGGGTT
TGAGCCAAATTAGATTTTTTGAAGGAACATTATTGTCTAGTAGCAAAGATCTAATACAAGTACGCTCGGTACG
ATCATTTGCTGCCGGGGGAAAAATCAAAGAAGGGATCTAAAGGGGGTGCAGCTGCTGATGCTCCTAAAGCATC
AATTCTAAGTAAAGAGGTGAAGTCTACGACTGTAGTTGGTGCCAATATTCTCAAGGAAGGTGCAGATCCAAA
AATTATGGCAGACTCAGAATACCCTGCTTGGCTGTGGCATTTGCTTGATAAGCATCCACCTCTAAGTGAATTAC
GAAGGAAGAATGCTGAAAGTCTTCTTATGCAGATCTCAGACGCTTTGTAAATTGGATACTCGAGCAAGGAT
CAAGGAAAACAATTCTATTAAGGCCAAGTAACAATATAGTAGAGGCAGACTTTGTTTTGTTTCTTTTGTTAAT
GTAATGCAACTCTTTGTCTAACTTTGTATCAATGTGCAAGTCCCGACTTGCACTTCTCTCCCTTTAGTTACTGTCT
GTTTTCCAAGTCCATTTTAATGTACTAATTTAGATGAAATTCGACAAGTTCGGCTTAATTTGAAAGCCAATCTT
GTTATATTTCTTTTGCTTTTGCAGTAAAAATGAGAGTTGGGAGAGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_1607 AY865171|Lactuca sativa chloroplast inversion region

AAAAGACAGTCGAATCAAAATAATTTGTTTTAAAGTTCTATTTCTTTCAGAGGGCAATATGAATATTCTATTAT
GTTCTATCAACACACAAAAAGGGTTATACGATATATCTGGTGTGGAAAGTCGGCCAACACTTGATTGGCAAAT
AGGAGGTTTCCAAGTCCATGCCCAAGTACTTATTACTTCTTGGGTTGTAATTGCTATCTTATTAGGTTAGCCAT
TATAGCTGTTGTAATCCACAAACCATTCCTACTGACGGTCAGAATTTCTTGAATATGTCCTTGAATTCATTCTG
AGACGTGAGCAAACTCAGATTGGCGAAGAATATGGTCCATGGGTTCCCTTTATTGGAAGTATGTTTCTATTTA
TTTTTGTTTGAATTTGGTCAGGAGCTCTTTACCTTGGAAAATCATAAGTTACCTCACGGAGAGTTAGCCGCA
CCCACAAATGATATAAAATACTACTGTTGCTTTAGCTTTACTCACATCAGTAGCATATTTTTATGCGGGTCTTAAC
GGAGGAGGATTAAGTTATTTGGTAAATACATTCAACCAACTCCAATCCTTTTACCCATTAACATCTTAGAAGA
TTTCACAAAACCTTATCACTTAGTTTTGACTTTTCGAAATATATTAGCTGATGAATTAGTAGTTGTTGTTCTT
GTTTCTTTAGTACCTTTAGTAGTTCCTATACCTGTTATGTTCTTGGATTATTTACAAGTGGTATTCAAGCTCTTA
TTTTTGCACTTTTGAAGTATATAGGCGAATCCATGGAGGGTCATCATTGATTAGTTTTCTAAATACTCT
TTTTTTAGCTTAGACCAAGGCAATGTATACATGGCTCAAGATAATCTACTTAGGGAACATAAAATATACAAATA
ATCAAAAAATAAGGAAGGTATATACTATCTAGGGAGTAAGACTAGAAAGATTACGATATTCGGGAATTAAAA
AAAAGGAAAGAGATCTAAAAGATCTTTTTCTCTCAACGATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1608 XM_002311420|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription
factor (ERF79), mRNA

TCATATCGTTGGACGGCTCTCAAAGCACAAGAAAACCCAAAAGATATGAATCTCGTCTCTCCATCAAAAAAA
AAATCCCGGAAAATCTTTAACATCTTCCCGAGAAAATCAAAGTCTTTTGCCAGAACCCCAACAAAAACAAAAAC
AAAAACAAAAAACCTCATCATCAACATCATAATAACAACAAATAAATTAAAAACATTAAACCCTGTTTTCTTTC

TTTCTTTCTTCAACTCTAATCTGCAAACTTTCTCATGAGCAAGGCACATTGAGAGCTTCATCCACCCAACAAGA
AATATCATCGTTTCCAAAATCATCGAAATCACAATCTGGAAGACAACTGGGTACATCGTCATCGAATCCATAAA
TTTGAATGTCATCCATGGCAGAGAAAATCGTCCAAGAATTGACCAATGTCGTCCATGAAAACTGGTCAAGCTC
CGGTAGCCCTAAATTGATTTCATACCTTCATCCACAAACCCCAATCGGGAACCTGAAGTTCGTTAATCAAAT
TCGTGTCAATCACTTCTCTTCATCTTCTTGATCAAAGCAGAGGAAGATGTTTCCATTTCAATAATGGCGGCG
GCTGGGAATGTTTGTGAGACGACGCTGTCGGATTCTCCTCGTTTTCTCCGAGGAAGAAGATGAGGAAGTAA
TGACTATGTTGCTGCTGCTTTTAGGGGCGGCCCGCCATGGCGGTTTCGAATTCGAGTCGTTTAGATTCTGAGGC
TTGGGAGGCCTCTTCAGCTGTGTTGTAAGTTCCAAGCCAAATGCGTGCTCCTTTGAAAGGGTCTCGGATTTCA
GCGGCCCATTTGCCCCATTTTCTTTGACGAACTCCTCTGTATTGAGAGGCGGATCTTCTGTGGAAAGGGTTTT
TGTACCTAAAACCTTTTCTTCTTCAGCTCTAGGTTTTTGCCGCCATTGTTGCTATCTTGGGAAGAGCTCGGAGT
GCTTGTAGTTACATCCATTGATTCGAGGAATGAGAAGGGAAAAGGGGAAGGTGGATTTCTCGAACGATTTCG
TTT

>trans_s_1609 DQ924970|Capsicum annuum ubiquitin-conjugating enzyme (E2) mRNA, complete
cds

AGCGTAACAAAAAGCAAAATAAAAATTCGTGATTCTACCAGAGTCCAATCGAAGCCTAACTTTTTATTTGTT
GACCTCCGTAGGGCTCACCCACGCTCGCCAAACCGCCACCTTCTCTCTCCCTCTCCATTTCCATTCTCTTTAC
GCCTCTGCAACTCAGACCTATCTCCTCTCTCCTCTTCACAGGAGATATGATTAAGCTATTTAAAGTCAAGGAGA
AGCAGAGAGAACTTGCTGAAAATGCTAGTAATGGGGTACCTACAAAGAAGCAAAGTGCTGGGGAAGTGCCT
CTTCATAAAGATATTAGTGAGCTGAATCTACCAAATCGTGTAACATAACCTTTCCCAATGGCAAGGATGACCT
CATGAACTTTGAGGTGTCAATACGACCTGACGAGGGATATTATTTAGGAGGCACGTTTTATTTCTCCTTTACAG
TTTCCCCATCTATCCGCATGAAGCACCGAAAGTCAAGTGCAAGACAAAGGTTTACCATCCAAATATTGACTTG
GAAGGAAATGTGTGCCTCAACATTTTACGGGAAGATTGGAAGCCTGTTCTCAATATTAACACTGTTATTTATGG
ACTCTACCATTTGTTACGGAACCAAATGATGAAGACCCACTGAATCATGAAGCTGCTGCAGTTCTAAGAGAC
AACCCGAAGTTGTTTGAATCTAATGTGAGAAGGGCTATGGCTGGGGGTTATGTGGGGCAGACCTTTTTCGCA
CGATGTATGTAACCTCACTCTTTATCCTTCACGTTTCATCTTTTCTGCGCTGTATGTAGCTAGCTTTTGTCTCTTG
TACATTAAGTGCTTATTTAGAAATATCCCATCCATTACCTACGTTTGTGTTAGCCCAATGAACCTAGTGGTATT
AATGTGTATCATTTCTATATTGTCAATTAACATGGTTATATTTTCTCAATATTTTGGATGGAAGCCATGGCAAT
AGGGGCTGGCATAGTCTTTCAATCCTGATTTTGTTTAGAGAACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1610 DQ091761|Medicago truncatula N-acylethanolamine amidohydrolase mRNA,
complete cds

ATCTGATGATAATTTGAATATTTTGGGATCACTACGACTGGGAAAGTACTCCCCGTGGTTTAATGATGTGTATT
CAACTGACATCTCTGAAAAAAGTGAGGACATTCTTCAACTGTTGACGAAAACCTCATGGTTGCGAAATTGTAGA
AGTTGTTGTGCCTGAGCTGCTTGAATGCGCACTGCTCATCTTGTTGCTATTGGTTCTGAATTTCTTGCTTCAAT
GAATCCTGATATCGAGGATGGGAATGGTAAAAGATTAACTTATGACAGTCGTACCAGTTTCGGCACTGTTTCGG
TCATTCACTGCATCGGATTATGTGGCTGCACAGTGCCTTAGGCGGAGAATAATGCACCATCACATGGAAATTT
TCAAGAAGATTGATGTTATTGTGACCCCGACAACCTGGCATGACTGCACCACTTATACCTCCCAGTGCTCATAAA
TATGGCGAGACAGATATGCCGGTTACAGGTTATCTCATGCGGTTTCATTCATTGCGGCCAATCTTATTGGACTCCC
TGCCATTTCTGTCCCGATTGGTTACGATAAACAAGGACTCCCAATAGGCTTGCAACTGATTGGTCGTCCATGGG
GTGAAGCTACGATATTACGTTTGGCTTCTGCAATAGAGGAATTATGTGGAAACCCCAAGAAGCCAATGTCATT
TTACGATGTTCTAACAAGTTAAAGAACTAGAGGGAATAATGCAAGTGGTTTCAAACGCTATAGTCGATCCGA
GAACTTTGATGGTTTTGAAAGAAGAGAAATAAAAATGTTTTTCGCTTTATACACATGAGAAATTATGGAAAT
GTAGTTTCCATATACTTATATGAACTACAAGATGGTTGTATCTCCGTTTGGAGAATGCACACGCGCGTGATTG

TGTGAAAAAAAAATACCCTTGGATTCAACCTCTTCTTACCGATAGAGTATTGAGAGAGCTAAGAATGTGAT
CATTTACTTTTATATATTAATAATCAAAATCAAGAAATTTTCTTATTGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_1611 AF419596|Arabidopsis thaliana At1g54920/F14C21_27 mRNA, complete cds

ATTTATAGGGTAGTTCAAGTGCTTAGAGCTTCATTTGTACTTTACAAGCCATGGATACTATTAGGTCAGGTTGA
TCCCAATAACTTGATTTCTCTTGCGAATGAATGCTCCAATATTTGGTTGAGTTCAGGACTTGTTGTAGCTCTCTG
CAAGATAGATGGTCTATTGATTGCAAAGCATTATTGGATTGATCAATGCTATTGATAATCTTGATGAATGGG
GTTTGAGAAAGCATGTTCTCTTGGGACAGCAACCTACTTGTAATCTATCGCTCTTGAGTGCTGAATCAATTCCA
GGTATGGATTGGTGGTCTGGAATGGGGAGAACTACTTTTTGAAGCTCGCGAACTTATGGGCAAACCTAATA
GGTCGTGATCCTCCAATCATTCACTGATTGATTAAAGGTGATAAGAGGATCCAGCCATGTTGTTTTGTATAAT
AGCCTATGGATGATGTGGCTGTTGCTATTTTCTCCAAATGAGGTTTCATCACCTTCGTCGACCCCGCTGCTCATT
CGTGTTGATGTTGTAATAGGAAATGCTAGATGATTACACTCCTTGAGATGAAATTAAGAAAGGAGAACACTTT
CCAGGTTTTCAAGAAGACCAAATAAATCCAATCTAAGTCTCGTGGGATCCACATTCTACCCATACTCGGCCAT
TCTTTAGAAGAACTACTGTGTAGCAACTAGATGATGTTTCATATCTGTATCATAGTATGATTTATGCAGTCCAG
AACTGGATGGATTCAGAACACCACATACATAGAGAGAATTCGTCATGTTGGAGATCATTTTTGTTACCCACAT
ATATATTTTTCTTTTAATCTTTTTGGTTCTTGTTAAATGTTGTATCTCTAGTTTCTAATCCAGAATCAGAACA
AGATCTGTTTATCAGAGATGAACCTTTGTAAAATGTATATATAGGTTGTCCTTTCCAGAATCATTGTTGTACTTA
TAATATGAATGTAATTTATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1612 NM_114674|Arabidopsis thaliana DNA binding / protein binding / transcription
regulator (AT3G48050) mRNA, complete cds

ACCTGGGACATGGTATAGGCACCCACAGGGACGTTGTTCTGGAGGACTAGATCTTGACTTGAACCGAGTTG
ATGATGCTCCTGATCCAAGCAACTTCTCCCTGAACAACTGTCGTAGAATTGAGGCTCCAATTAGTGTTAAATCA
TCTACTGTTCTCTCAATGACAAGGTGAATTTTCGTAGGGACTTTGATTTAAATGGTCCTATTGTGCGATGAGGC
CACTACTGAACCATCGATATTTCTCAGCATGCCAGAAGCAGTATGCCAGCCCAGCCATCAGTTTCTGGCCTTT
GGATGAACAATGCAGAAATGGGAAATTTCCCATCATGGTTTCTCCGGGGAATGCCTATTCAGCTGTTGCAAT
TCCATCAATTTTGCCTGATAGAGCAGAACAGTCATTTCCAGTTGTTGCAACAAATGGACCACCCAGGATTTTGG
GACCCACAAGTGGTAGCAGTCCATATAGCCCTGATGTCTTTAGAGGGCCAGTATTATCATCTTCTCCGGCAGT
GCCATTTCTTCTGCAGCTTTTCAATATCCTGTCTTCTTTGGAAATAGCTTTCCTCTACCTTCAGCCACGTTT
TCAGGTAATGCAACAGCATAACGTTGATTATCATCCGGCAGCAGGCTTTGCTTCCCAGCAGTCCCTTCACAGTT
TTTAGGTCCTCCTGGTACAGTTTCAACGCCGTATCCAAGACCTTATGTTGTGAGTCACTCAGATGGCGGCAACA
ATACTAGTTCTGATAGTAGTCGAAAGTGGGGAAGACAAGGTTTAGATCTAAATGCCGGTCTGTAGTTCCAGA
CGCTGAAGGAAGAGAGGAATCATATCCTTGGTACAAAGGCAACTATCTGTTGCCAGTTCGCAGGCCACAGC
CGAAGAGCATATGAGGGTTTACCAGCCAGCAATTGGCATAATGAAAAGAAAGGAACCAGAAGGAGGATGGG
ATGGGTACAAACAGTCATCATGGTCGTAGGAAGATCCCTGTTGAAACCTGATAGCTGGTGAGTTCTTGGGGC
GTGAGTGA

>trans_s_1613 XM_002303183|Populus trichocarpa iaa-amino acid hydrolase 11 (ILL11), mRNA

AAGCTGATCCACTAGATTCACAGGTAGTAACGGTGGCCAAGTTCCAAGGAGTTGGTGATTAAATGTAATTCC
AGATTCTGTTACAATAGGAGGCACTTCCGAGCCTTCTGAAGGATAGCATGGTTCAACTCAAGCAACGGATT
AAAGAGGTTATCACTGGACAAGCTATCGTGCATAGGTGCAATGCGACTGTCGACTTTTTGGAAAATGATAAAC
CCATTTTCCCTCCAAGTGAATGATAAAGAGTTGCATGAACACTTCCAAAATGTTGCAGGAGATATGCTTGGC
ATTGACAAGGTCAAGGAAATGCAACCAGTTATGGGATCTGAAGATTCTTCATTTTACCAAGAGATGATCCCAG

>trans_s_1614 NM_001057852|Oryza sativa Japonica Group Os03g0756400 (Os03g0756400)
mRNA, complete cds

>trans s 1615 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ACTTGCGTTGGGGAAGAGCTGGGGAAGAGAAAGCCGAGCCAAAACAGAAAAAAGATTAGATAGAAATGAA
GAAAGGAAAAAGGAGGACTTTTAAATATAACCCGATCTGTCCAACCTGATATGTATGGTGAATCCAATTGA
TTTTGACTTCAAGCATTAGATCGCCTGTCTCAGTTAAGAGGAGTCATGAACAGAACAGGTTCAAAATCACGAT
CAATTCCTTTTTCAAATCCTGCGGCAGCTGCACGAGCCCTTCTGCATGCCATAAATGACCTACGAATAGGAAG
AATCCTAGAACAAAATGAGAGGTAGCTAACCAACTTCTAGGAGAGACATAATTGACTGCAGGCCGTTCCGTA
GCTACGCCCCCACGGAATTTAAGAACCTAAAGGAGCATGGGTCATATATCCGCGGAACGTCGTTCTTGCC
AAGGTTGGATGTCTTTTTTCAGTCTACTCAAGTCCAAACCATTAGGACCCCTTAGTGTTCTAACCAAGGAGCA
CGCAGATCCCAAAACGCATAGTCTCTCCCCAAAATGACTTCTCCAGTCGGAGAACGCATTAGATATTTACC
TAAACCAGTAGGTCCTTGAGCGGATCCAACGTTAGCTCCAAGACGTTGGTCTCTAACTAGAAAAGTAAATGCT
TGAGCTTGAGAAGCTTCTGGTCCAGTCGGCCCGTAAAACTCACTCGGATAAGCAGTATTATTGAACCAGACAA
AACACAAGCAATAAAACCAAAAACAGATAAAGCACCTAACTATAAGACAAGTAAGCTTCTCCAGACCATAC
AAGTGCGCGGCGAGCCCATGCAAAGGGTTTAGTTAAGATATGCCAAATTCACCAAGTATACAAATGGAACC
TAACCATACATGTCCCCCACTATATCTTCCAAAAGGTCCACACTAACATCCATCCTTCTCCGCCAAATCCCCT
GTTGTTCCACATCCGACTGGGGCACATCGCCGGCCCCCATCCGCTTCCCTCCCGACAATTTCAAGCACTATTG
ACTCTC

>trans_s_1616 NM_113385|Arabidopsis thaliana catalytic (AT3G24730) mRNA, complete cds

CTATCTTCTAAGAACCTTAACAAAGAAGGGAGAAGTGGATTCCCTTATTAGGGATACGATTGATAAGGTCCTA
ATTCTCCGATTTGGGCGGTGTTCTGATTCAAGTGTGTCTCCTCCTTGATGACATTCTTGCTAAGTGCACGAGA
AGTATCCAAGTTTGCTTCAATAGCATTGGTTGATATTGATTTCAGAAGAAATGCAGGTTTATGTCAAGTACTTTG
ACATAACTCTTATACCGTCCACTGTTTTCTTCTTCAATGCCCATCATATGAAGATGGATTCTGGGACTGCAGATC
ATACAAAGTGGGTTGGCGCTTTTCACCAAAGCAGAAATTTTATTGATGTTGTGGAGGCAATATTTAGGGGAGC
AATGAAAGGCAAGCTCATTGTGAATTGTCCGTTGCCTCCTGAGCAAATTCAAAAATACCAGCTATTATTCAAGG
ATGTGTAGGAGATGAAGTGGTGTGTAAAGGCTTTACGGTATTTTTCTTCTCCTAGTTAATCTAACTAGTTTT
TCGATGGTATCAGTCATCCTGTGAAGTCTAATTTTGGTGTATGTCAGTCAAGTTGCCATACTGAAGAATGACT
TAAATGAATTGAAATTCATGAAGAATGTTGCCAAATGCTCTCGTATCTCCATATTTCTCTGCATTTGAAGCA
TTTCAACATTTCTGGTGGTACGTTTGAATTTGGGGAACAGAAGAAAAGTTTGTGTGAGCATTTTCTTCAGCTA
CCTATAGAAAATTAGGTTAAGTTGAGAAAGTTTCAGGTTATGTATTTGTTTCAAGTGGTGAGATTATAGTTCATT
CCCTCTCTTCATTTGTGGAATAATTTCCCTTGTGTTAGATTGCTAGTTTGTGAGTGGGAGATTAAATCATGTGTA
AAACCATCTCGTATATTTTTATTTTGTGAAACACATTAATGAAAATAGTGAATGTTTTCTTCACCGAGTTACTTG
GAAGCAATANAATGAATGATTCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1617 NM_001073640|Oryza sativa Japonica Group Os12g0576300 (Os12g0576300)
mRNA, complete cds

ATTCATTCTTCAATGGGAAAGACCAGAATCTCAATCCTTCAGCTAAATCTGATGATAAGGAGTTATCCAAACCA
AATCCCGAAGAGGATTGAGAATCTCTGAGTAAAATTGAAGCTGAGCTTGAAGCAGAACTTCAGAGGTTGGGA
CTAAATACTGAAACATCGAGTGCAGATAAAAGATTCGCTGATCTTCATGAGCTAGATCAAGAATTTACGGTAG
ATTTTTCTGAAGGTGAGTTGAGAGCTGACATGATCAATGATCTAAGTCCTAAGCTTCAGCAAAATCAAGATGC
AAGTGAGTTTACCTCCTCGGGTAACTACACAGTTTCACCTGGGAGCTTAGTGTTGACTACACGAAGTCGTTT
AGTCAAGGCTCGAAGCACGTGTGAGAGAGCTCGAAACGGCCCTTGAGAACAGCGAGAGGAGACTTCACAGC
ATTGAAGCCAAGCGAACTGATTCTTGGAAGAATTCACCCATAATGAAATGCTACATTCATCTAGTGAAGAAA
GTCTAACTGCTCAACCCCTTGTTATGAATTTATCAGGAGAAGCTCTAGATGCCTACAACGATGCATATAATGAG
TTGATGGATATCGACGATTGAGAAGAAGAACCTATGCATTGCGCTTCAACAGGTGATGAAAGTAAGCATTAC
AAAGCCAACTACTGTCAACGGTCATCCATTTTCAGTTCAGAATGGGAGAAGAAACGGATCGATAAGCCTGG
GTCGGATACTTGTTGAGGAGAAAATGAAGAATTCTTATAAAAAGTTTGGCACAATGAATGGAGAGTCAAATG
AGGTAGATGGGAGTGAAGATGAAAGCAGTGATTATGATGATGAGGTAGAAAAGCAGTTGATAAAGCAGATT
GTTGAGAAAACCAGAATGGGTTCTCCTGTGGTTCGGAATGCACAAAGATGGTTATTTTCGATGGATAAAGATG
ATGGCTGAGGCAGTTATAGAAGACGATAGATAATGTAAGTTTAGAAATACGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1618 NM_111919|Arabidopsis thaliana DNA binding / protein binding / transcription
regulator (AT3G10820) mRNA, complete cds

CCCTTTTTGGAGCACCCAGTTTTGATTTTAATCTCTTTAAAAAATTTCTAGAGAGAGAGAGAAAACCAACCAAA
CAAACAACAAAAACCCATTTCCATTTCTAAATCCATTCTTCCATTGAAAAAGAAAAGAGAGATTGAATTGAAAG
ATTGAATCTTTGTTCTTATTTTCTTCTCTTTCTTTCTTCTCTTTCCATTTCCCATATTCCCGATATTTCTT
CTCCACAGCAAAATCCCGGAGCTTTTCCGGGATTGAAGAGAAGCAACCAAGTTAATTTCTCTGTTACTACTACC
CTTTTTCAATTTTTTAGAACAATCCACAAACCATAGCTTGGGTTTTGATCAATATCCTGTTTTGTTCTTGATCAG
ATCCTTAATTTTCATAAAAAGAAGGAACGAAATCGAGCACCAATACTTACTCTACACACATTAACCAACTCGTT
TTTTGTGTTTAAACGGATGAAACTCCGACTGTTAATGGGTTTGTGCTAACGATTTTTTCTGGGAATCGGATTC
TTGTGGTGCTGGATTAGTGTTAGATAAGGCGGGCTTTTCTGTTTTGGGTGTTGTTTTCTTTCAAACCCATCTT

CAATCAACTGGGTTGAACCCCAATTGCTTGCGTTTTCTTCATATTTAGGTTTTTGTCTCACGGCGATGGAAT
TCCCACTTCGATTCTGAGTATTTGTTGGAATTTATCTGGGTTTGATCAAAGGTTAGTTTCTCCAGATTCCGAT
CATGGCTGCCAAGTCTGGGTCCCTTGATTCTGGAGGAATTACTTCCGGAATGCGAATTCGGATATTTTGGTA
TTATCGATTACGCAATTTTGGTGGCGGCTCCGATTGTCCTAAGGAGTTCAGGTTGAGGAGAGATCGAATTGC
AGAGCAGTTGTTCTCTTGCCGATTGACTCGTTGTTGGGCTGTGACCGAGTGAGCTGGCGGTGGCCGGAGA
CATCGACGGAGGTGAAACGGGTTTCAAGAGCGATTTGCCGGAGATGGGTGTGAGTTTGAG

>trans_s_1619 BT000248|Arabidopsis thaliana glutamyl-tRNA synthetase (At5g26707) mRNA,
complete cds

TAATCCAATTCCCCACCACCGGATTGGTTCCAAGTATAAGATATACCCAACCTTATGATTTTGCCTGTCCATTTGT
TGATTCTATTGAAGGCATTACACATGCACTACGGTCTAGCGAATACCATGACCGCAATGCACAATACTACCGA
ATCCAGGAAGATATGGGTCTAAGAAAGGTTTCATATATACGAATTTAGCCGGTTGAACATGGTGTATACTCTTC
TCAGCAAACGTAAGCTTTTGTGGTTTGTTCAAAATGGTAAGGTTGATGGATGGGATGATCCCCGTTTTCCAAC
AGTACAGGGGATTGTTGAAGAGGTTTAAAAGTTGAAGCTTTGATTCAATTCATCTCGAACAGGGGGCATCG
AAAAACCTCAACCTTATGGAATGGGATAAACTATGGACCATTAAATAAAAAGATTATTGATCCTGTGTGTCCCA
GACATACTGCTGTTATCGAAGAACGTCGTGTGTTATTTACCTTGGTAATGGTCCAGAGATACCATATGTTTGA
ATAATACCAAAGCATAAAAAATATGAGGGTGCTGGTGAAAAATCTACCACTTTCACAAAGAGGATATGGATTG
ACCAAATTGATGCACAATGTATCAAGGTGGATGAAGAAATCACCTTAATGGACTGGGGTAATGCAATAGTGA
AAGGCATCCAGAAGGACCAAGATGGGTTTGTACACAATTGTCAGGAATTTTGCATCTTGAAGGTTCTGTGAA
GACCACGAAGTTGAAGATCACTTGGCTGCCTGATATAAAAGAACTAGTTACACTCTCACTTATGGAGTACGAT
TATTTAATCACAAAAAAGAAGGTATGGACGTTTAACTGGCATCATTGCACTTTTTTAGTAGTAAACGATGTC
AGTCTGTTTATTTGGTTGATTAAGATATTATACTCTCTCCCTGTTGATTTTGAAGCTCTGAAGGAGAGATGTCTG
ACTAAAATCAAAGTTCGAAATTATGCATACTGACAGTGACTTCAGCATATTTGTGTGTAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_1620 NM_001187588|Oryza sativa Japonica Group Os05g0554000 (Os05g0554000)
mRNA, partial cds

ATAGGGGAAGAGAAGGTAAAGGAGAAAAAGCGGTTAAAGATATGTTGTTTGTAGTGAGAAAATGAGAG
AAAAATTGTGGGTTTATAGAAAGGAGTTGAAGACAGTGATCTTCATGGCAGCTCCAATGGCTGCTAGCACAAT
TTTGAGTATGGAATGCAAAGTGTGGAGTGATGATGGTTGGACATCTGGAGATGAACTTTTGCTTCTGGA
CTTTCCATTGCTTCATCCTTCATCAATGTCACTGGATGTAGTGTTCTTCTAGGAATGGCCGGAGCTTTAGAACT
CTATGTGGACAAGCATATGGAGCAGAACAAATATCATAAGATTGGAATTTATACTTATAGTTGCATGATTTCTCT
CCTTTTAGTTTGTTCCTCAATCTCTATATTATGGTTTTTTCACAGATAAATTACTAATTTTGATTGGCCAAGACCT
TCAATTTCTTTGTGGCAAGAAATTACTCAATTTTCTCATTCCAAACCTTTGCCTATGCAATCCTTCAATCTC
TTGTGCGCTATCTCCTCACTCAAAGCTTGATCCTTCCTTGCTCTTTTCTCATTGTTACACTCTCTTGCATATT
CCCATTTGTTGGCTTCTGTTCTTCATTTCAAGTTTAAAGTTATGGGAGCTGCTTGGCTCTTGGCATATCTTATT
GGCTCAATGCTATTTTCTGGTCTTTATATCTTCTCTCTCTTCTGTAACAAGACTCGAGCTCCGTTCTCAAG
TGAGGCTATCTCGAGTATCCCTAAGTTCTTTCGGCTTGCCCTTCCTTCTGCCTTGATGGTTTGCCTTGAGTGGTG
GTCTTATGAGGTTATTCTTTGCCTTCTGGGCTTTTACCAAATCCTAAGGTGGAGGCTTCTGTGCTTCTATATG
TTTCTCAATCACTTATTGCAATTATTCATACCATATGGGGTTGGGGGCCACAGTAAGCACAAGAGTATCAAAT
GAACTAGGAGCTGGAAATCCAGAGGAAGCTAAAGTAGCAGTGAAGGTAGTGGGAGTTC

>trans_s_1621 AF380625|Arabidopsis thaliana AT3g02420/F16B3_5 mRNA, complete cds

AAATCTTGTTGTTTCAAGAAGAACGACAACAACAATCAGAAGAACGAAGAACTTCAGAAATGGGGGAAGAAC
AAGATGATTCCCAGAGGCTTAAGAGGGCAGCGGCAGCATCATACGACTACGAGAACGATCCCAGATGGGCT
GATTATTGGTCCAACATTTTGATTCTCCTCAAACATGGCGTCTCGCCCTGATGTTGTTGATCATTACAAGCGAA
GTTTTACCAGAGATACATCGATCCTGAACTTGTAGTAGAAGCCATGTCTTCAAGTAGTTCAACTCAGTCATCTA
GACCTTCAGCAACATCTTCCGACGACCCCCCTCTACTAATGATCGAAGTCGACCACGAAGTTCAGGATCAACT
TCTAGGACTTCAGGTACATCTGCAAGTGGAGATGCTAATCCAATCCATTGCGCTGGGATCGACAAACAATTC
AGTTTTCTGTCAATGCATGGGTGTTTATTGTGGCTGTCTTGGAATTTTCCCCCTAATACCCAAAAATCTTTCAC
ATAGGGCATAACAGGCTATCTTTATGGGCACAACCTGTTCTTCTTATATTCTTGTACTCGTTGTATGGAAAGC
CCAGGGCGTGGAATTTGCAAGCACCGCAAGCTTATTTCCAGTCGATAATTGGAACAAAAGATTTTCATTTACTTC
ACCTACTGTATCACCTTTGTGACTTCAAATATTTGTCTTAAATTTGCTTTAATTCCTATCCTATGTCGGTCACTTG
AACATGTTGCAAAGTTTCTTAAGCGTAATTTGCACGTTTCATCCTTATACAGGAAATATTTGGAAGAGCCTTGC
GTATGGGTGGAGTCAAATTCAACTACTCTCAGCATTCTGTCTTCGAGGCTGAGATTGGACTTGGCTTCATTTCT
TATCATCTCCTTGCTCTCGTGGCAACGCAACTTCTTACATACATTCATGTACTGGCAGTTGCTAAAGCTTATGTA
TCATGCTCCTGTCACTTCTGGGTATCACCGTAGCGCTGGACCAATATTGGGAGGGGTTGTTTCGCCG

>trans_s_1622 EU159403|Solanum lycopersicum inositol-1,4,5-triphosphate-5-phosphatase (5PT2)
mRNA, complete cds

CGAAGAACTCAATTCCATCCACTTAATGGTGTGGGTTTCCTAAAATAATCCACGACCACGAGCGGATAATCTG
GTTGGGTGATTTAAATTACCGGATCAACTTGTCTTATGAGAAGACAAGAGAGCTTATCTCGAGAAAAGAGTG
GTCCAAATTGGCTGAGAGTGATCAGTTATTACGAGAGCTTAGAGAGGGTCGTGCATTTGATGGATGGACTGA
GGGAAACCTAAGTTTTGCACCGACCTACAAATATGAAAAAATTCAGAGAAGTATTACGGCGAAGATCCAAA
AATTGGAAGGCGTACTCCAGCATGGTGTGACCGTATACTCTCATATGGAAAAGGATTGAAGTTGTGCAGTTAT
AGGAGGACTGAAATTAATTTTCTGATCATAGACAGTGACAGCCACCTACGTGGCCGAGGTTGAGGTTTTCT
GTCCTCGTAAGCTACAACGTGCTCTAACATTTACAGACGCAGAGATCGAAAATGAGGAAATAGCAATGGATG
TATACTGAACTTTTATCAGTTGCTTAAATACAGCTTGGGTTAGAATTTATCTAATCTTTCATATGCCTTGAATCG
ATGCTTGATATTGCGTATGGAGGATTCTTCAATCAACAAAGATGATTTGGAGTAGCTTTCTGGTGCACAAG
CATTTCAAGGTAAATCCAAAGAGCTCAATCTTTTATGAAACCAAGTTTGGGCTATTTGGCTAACAAGTTTGTG
CTTGAGATCATGTAGCTCATGAACTTTGTTGATTAACCTGTATTTTACTCCATTCTTTGGATCACATTCTTCTG
TAGTTAGAGATGTGTATTGATGTGGTTGTGTACATGAATTATCTCTCTAGGGTTTCATTTACAAAAGATATAGG
AATGTACTCTTATTTTGTCTACTTGCATAGGTTTTCCACGTATATGAGAGCTTAGCATTGTATAGCAATAAA
GTTTGATTAAGATAATTTGGAGATTTAGTCATCTATCGTTTTGCTCTTTTATCGATTTCTTGGAGATTTGGTG

>trans_s_1623 AY448010|Ipomoea trifida haplotype S1 self-incompatibility (S-) locus, contig SR1

TTGGCCATACCATGACCGGCTCACCCCAAATTTATGACTAAAAATCTTTACCAGTCATTACACTCTCGCCAG
AACGAAACCCACCGAAACTCCGATCCAATTTCCATCATGTCAACGCCCCACCGGTCACTCCCGTCCAACGCTT
CTCCCGAAACCTAACCTAACCTAAAACTAACCCAACCAACAATCAAACCGATCAACTTCGATTTACCCGA
CGAAGACGAAATCAATCTCCTGAAGTCTACCTCAAATCTCCAGATCCGAAAACCCACAAAGAATTCTCTCC
CCTCTCGATTCTCCGGCCTTCGACCGCCTTCAGACCGCCGTGCGCCCCAAATTCTCACACTCCGTCATCGCCG
ATAAGCTCCACCGCCTCAAACCTCTGTACCACAAATTCGCAAGAACAAGTCCTTCATCAAAACTCCTACCAA
CGTCAGATCCTCGACCTCGGCCGAGCATCTGGGGAAAATCCCCACACCTATAACAAGAAAACACAGGTAA
TTTACCTTCAAGGATACTTTCACGAAGAATCAACAGAGATCAAGCACTAGAAAAGAAGGGGTTGGGGTGG
ATATTGATCTGAAGAACTTCTCTGTTCTTGTGGCTGAATTTTCTCAGCAGTTTCCGGGGAATGGGGTGTGGAG
AGAAGGGCTGAGGAGAATGGAGGAGAAGAATTTGAAGGATATGAATGAGAAATGGGTTTTGTTGCATATTG
AAGGGGCTGAGCTTAAGGCAAGAAGGGCTGCTTTATTAAGCAGCAACTTAAGAATACTACAGAGACTAATGAA

GATGTGAATTAGAATTATGATTTCTTTCTGATTTGTACAATACATAGTTACAGAAAGAGAGCATTTTCTTATTG
TCAATGTTGTTGTGTTGTTCTTGTCTTCGATTATGAAGTTATGGTAGAACTAAAAATAGGTGCACCTGTATTGT
ATGATTGTATTGTTATTAAATCAGCAAGGTAAAGATTTTTTACCCATGCAAAATGTTGCTAAAAA

>trans_s_1624 AB294703|Hevea brasiliensis HbCMS mRNA for 2-C-methyl-D-erythritol 4-phosphate
cytidyltransferase, complete cds, note: HbEST_No.10832

GGTTTCTCTCACACTCAAAGCCTCGAGATGGCAACTGTAACCCGTTTTCTCCACTGAATTGCAGCTTCCCATC
TTCTTCTCCAAGCAATTCCAACCAACAACCAACTTCCCCCTAAAATTCTCCATCCATTTCTCATTTACC
CTCCACTTTCAGGCGTTCAGTATGATTTTAGGGGAAATGAGAAATTTCTCAAGTCCGTGATCAAATGCGGAG
CTGCCAAGTTGGGGATGGCTCTGGGATTGTGAAAGAGAGAAGTGTCTGTCAATTCTGTTGGCGGGTGGCA
AGGGAAAAAGGATGGGGGCAAGCATGCCAAAGCAGTATCTTCCACTTCTAGGTCAACCTATCGCTCTTACAG
CTTGTAACACTTTCTCTCGTCTGATCGAGGTTAAGGAAATCATTGTGGTTTGCATCCTTCTTATCAGGATATTT
TGAAGATACCAAAGAGAAGATTGATATTCAACTCAAATTCACACTTCCAGGAAAGGAAAGACAAGATTCCGTG
TACAGTGGCCTTCAGGCAATTGATTTAACTCAGAGCTTGTGCGCATCCATGATTCTGCCAGACCACTTATATT
AGCAGGAGATATTCAACAGGTTCTTAAAGATGGTAGGCTTAATGGGGCAGCTGTACTTGGGGTTCCTGTAAA
GCTACGATAAAGGAGGCAACAATGATCGTTTTGTCCAAAAACCTTGGACAGGAAAACCTTTGGGAAATG
CAAACCTCCGAGGTTATTGAACCTGAGTTGCTTAGGAAAGGGTTGAGCTTGTCAACAGGGAAGGCTTGAA
GTAACCGATGACGTTTCCATTGTGGAGCATCTGAGACATCCCGTGTTCATCACTGAAGGATCTTATACCAATAT
CAAGGTAACAACACCTGATGATTTACTTGCAGAGAGAATATTGAATTTGAACTCGTGAAAGTTCTCTTGAG
GACTAAATAATCAAACCTCATCAGTTTACCACCATTTTCAACAGTAATTTAAATTCAATTTAACATAA

>trans_s_1625 AJ009987|Pisum sativum mRNA for chloroplast channel forming outer membrane
protein

ATAGCCATGGCAGCTTGGGGTTTATAGGTTTTAGGGATATCGTTTCATTTTCAATTTCTTGCACCTCCATCTCC
TCTTTTCTTTTCACTTCTCCTTCTTCTCCATGGATACTTCTTTCAGATACGCCGGAGACTCCAGAGCCTTAA
GAATCCACGCCAAGGAGAAGATTCTCTCGACTCCAACATTTTCTTGCAGGTTCTGTGGCGAGCTAGATACAAG
AATAGGAGAACCGAGTCTCCTCGCTGCTTCCGTTAGACAATTTAACCAGGATTTGTCTGCAAGCGCGGGTTTA
GGAGTGCAGTATGATAAATATAAGAACTTCATTATGTTGGTCGTGGGAAAATGTCTTTTCTGTGACTACCG
ATGGTTTGTTGAGATTTACTATTAAAGGGCAATCTCATCTTGACAAGGATTTTAAGCAGATTAAGTACAAAGG
AGCTGCTGAATTTCTTGGGTGTATTAAATTTTCAAAGGGAACAAGATGTAAGAGTCAAAGTAGGTTATGAA
GTGTTGAAAAAGATACCATACGTTTCAGATCAGGGAAAATAACTGGACACTGAATGCTGACATCAATGGTAGA
TGGAATGTGAGATTGACTTATGAGAAATAGAAGTTGAATTTCTCCTTCATAAGTAGTAATTTTCACTGCGG
GATTCCTTTCTGAGATGTGTATTTACCTTCATTTCCATTGTTTCTATTCTATTCCGATAAGCATTGTCTCAACAAT
TTTTTAACGAATTGATACATTTTCAAATCCTTTATAATCATTGTTATTATAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCGCCCCCAAAAATTTATAAACCCCCAACCCAGGGGGGGCCCCGG
GCCCAATCCCCCTAAAGGGGGTCTTATTACCCCCCCCCGGGCCGTCTTTTAAACCTGGGGCGGGA

>trans_s_1626 XM_002874085|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FTRA1, mRNA

AAAAATAAAATTGAAGGAAGAAGAATTTTTTAAAAAACTCAAGAAACCATATTCATTTCTTCTTAGGCGAA
AGAGTCTCCAGCGGCACAGAAATGATCGGTATTGCGAATAGTATCGGCCTGATGCCTCCGCCGGTACCGTCC
TCGGCGTCGGTGGCTGCACGTTTTGCCTGTTCTATGACGGTATTCTCTACTTCTGATGTTAGATCTTCTTTTCG
TCATCCGTTTGTCTTTATCGTCAGTTGTTGTTAATCCTTTTAACTGCTCGATTGAAGAGGGAGAAGATTGTTT
AGCGAGGTTTCAGTTAGATCAGATTCCGGAACTTCATCTTCAGCTACTGCTGTTTCGGCGGCGACAACGTCATT

GTCGGAGGAAGAGACTGATGAAGCGGCTGCCGCTAGAATTGGAGCGAGAGTTAGGGTTAAGGTGCCTTTGA
AGGTGTATCATGTAGCGAAGTTACCAGAGGCGAATCTTGAGGGAATGGAAGGAGTGCTTAAGGATTATGTTT
GTGTTTGGAAAGGGAAGCGTGTTTCTGCTAATCTTCCGTATAAGGTGGAGTTTGTGTTCTGTTGAAGGTCG
TCCACCAATCAAGTTTGTGCTCATCTTAAGGAGGAAGAGTTTGAATACGTTTAATCAGGCTTGTATTTCATCA
TCATCTTCTTCATTCTAATGAATCATCAAGCCAAGACAATTGTTGTTTTTCCGATCTCAGTATTAATACCAAGCTT
CCTTGTGCAGTATTATTGTCAACCTTTTAAGGTTTGATCTTCTTCTATAGTTCTATCTACACCATTTACGTTTTCT
TTGTAATGTAGAAAAATTGCTCGAATGTTTTTCTTCTGAGCTAGTTAACTTTCTCGATTCTCGATTTGGCTTTGT
AAAATAATTGCGCCAAGACAAGAGGAAATTAATCATCTAATACATGTCTGATCCGAATGGTTTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1627 NM_001061458|Oryza sativa Japonica Group Os05g0213500 (Os05g0213500)
mRNA, complete cds

AATGTGAAAGAGAGTTTTCAAAGCATGGGAATGTGAATGGGTGGCTGTGGCACTAAGTTTTCTCTGCTCCAAC
TACTCTCTATAGCCTTCCATCCAACAACCTCTTATCCCTCAAAAAGTAAAACCCCCCTCTTCTTCTTCTTCAA
CCCAGATCCATGGAGTCCCAATACATTCAAAGGCACCACAACCACAATCCCACACATGACCAGTGCTCCTCCGC
CATTTTCAAGCACATCAAAGCTCCAGTTCACCTCGTATGGTCCTTGGTCAGGAGCTTCGATCGGCCTCAGAGGT
ACAAGCCTTTTGTTAGTCGTTGTGTGGTGAGAGGAAATAGCCTTGAATTGGGAGTCTTAGAGAAGTTGATGT
CAAATCTGGGCTTCTGCCACTACTAGCACCGAGAGATTGGAGCTTCTTGATGATGAAGAACATATACTTGGT
GTCAAGATTGTTGGTGGTGATCACAGGCTTAGAACTACTCTTCGATCATCACTGTCCATCCCGAAGTTATCGA
TGGAAGACCAGGGACACTGGTGGTTGAGTCATTTATTGTGGACGTGCCTGAGGGGAACACCAAGGAGGAGA
CATGTTTCTTTGTCCATTCCCTTATAAACTGCAACCTCAAATCACTGGCTGATGTCTCTGAGAGGATGGCCGTG
ATGCAGGATGCAGTCGAACCAATTCATCCATACCAGGTATAGCCAGAAAAGGTGTACAATCAATAACAAAGG
AAGCGTTTTCTATAGATTTTTCTACGTGCGCAGCAGATTTGCCATCTCATTGGAGACTACCCAGTATCCTCTTCT
GATTTTGTTTTCATATATGTTTTGAATGTTAGGATGGTGTCTTTGTGTTGATAGTCTTGTTTTCAGCATTGTTTGC
TTTGATTTATGGAACCCCTAAAGTGGGAAAATGTGGAGTTCTGTTTTGTTTTTATTGATTGGTATGTACGTA
TTTGTGGTATAGAGATGCTTTGATCAGTGTATAGATACTTTGAGGTGTATGTATATAATATCAACTT

>trans_s_1628 NM_102021|Arabidopsis thaliana PBC1 (PROTEASOME BETA SUBUNIT C1);
peptidase/ threonine-type endopeptidase (PBC1) mRNA, complete cds

TAAAGCCCAAGCCATCAATATCTATACTAAAATCAAGTGTGTTGCTCCTTCCCGCATTTCTCTTTGCGATTCAAC
TCTCTCTCTCTTTCAGAGATTCTCATAGTTTTTCTATAGGGAAAGCTTGATTTCTGACCTGATGTCGATCTTTGA
GTATAATGGAAGTGCTGTAGTTGCGATGGTGGGGAAGAATTGCTTGGCATTGCCAGTGATCGTAGACTTGG
TGTTCAATTACAGACTATTGCCACAGATTTCCAGAAAATTTACAGGATTCATGATAAGCTATTTCTTGGCCTTTC
GGGGCTTGGTACCGATGCTCAGACACTGTATCAACGGCTTGTTTATCAGCACAACTGTACCAACTTCGTGAA
GAGAGGGACATGAAGCCTGAGACTTTTGCTAGCCTTGTCTCAGCTCGTCTTTATGAGAAAAGGTTTGGTCCAT
ATTTCTGCCAGCCTGTAATTGCTGGATTGAGTGATGAAGACAAACCTTCATTTGCACGATGGATTCCATTGGG
GCCAAAGAGCTTGCTAAGGATTTTGTGTTTCTGGTACTGCATCGGAGTCCCTTTATGGTGCTTGAGGCAAT
GTTTAAACCTGACATGGAACCAGAGGAATTATTTGAGACCATCTCTCAAGCGCTGCTGTCTTCTGTGGATAGG
GACTGTTTGAGTGGATGGGGAGGGCATGTCTATGTTGTTACGCCTACTGAAGTAAAAGAGCGAATCTTGAAG
GGACGCATGGATTGATCCATTTTTGATGTTTGAAAGATGACTTGTTCATGATTACTTCAAATTAGGCTGCAG
TCCAGGGCAATGGAGTTCACGAGTGAAATGCAAGACTTTCATGCTGGGCTGAACTTGTAATGTGCTCTATAT
AATTTGACATGGAATTGGCTGTCTAGAACTGTCTACTCGAGACAATGCTTATGAAACAAAATGTGCCTTTTGGT
TCAAAAATTGATTGATTTAGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1629 AF367255|Arabidopsis thaliana AT3g52990/F8J2_160 mRNA, complete cds

CAGAACCAGGTTTTCTCTCATTCCCCTCTCGGATTGAGAGATAGAAAAAGGCCATTTTCCATTTTCGATTCAT
TCACTTCCTCTTCTTTTTCTTCTCCTTCTTCTCCTCCTCCTCCGATTTCTTCATCTTCTCTCAATCACCCCGAT
TACCCATCGACCATGCACTCCAATCACTTGCTTCTCGAGGAGCCTATTCGCATGGCCTCCATCCTCGAGCCGTC
CAAATCTAGTTTTTTTCTGCTATGACTAAGATCGTTGGGACTCTTGGTCCTAGGTCTCGATCTGTTGAGATTAT
CTCTGGTTGTCTTAAGGCTGGAATGTCCGTTGCTCGTTTCGATTTTTCATGGGGTAACGCTGAATATCATCAGG
AGACTTTGGAGAATTTGAAGGCCGCTGTCAAGAGTACCAAGAAGCTTTGCGCTGTTATGCTTGACACTGTGGG
CCCTGAATTGCAAGTAATAAAACAAAACCGAGAAATCCATTTCACTTCAGGAAGATGCAATAGTCGTCTTACAC
CGAATCAAGAACTCGAGGCGACTTCGGAGCTCTTGCCTATTAACCTTTACAGGACTTTCAAAGGCTGTGAAGAA
AGGAGACACAATTTTCGTGGGTCAATATCTTTTCACTGGAAGTGAATCAACTTCTGCATGGCTGGAGGTTTCC
GAAGTCAAGGGCGATGATGTTGTTTGTGTAATTAAGAACTCGCCACATTGACTGGGTCACTGTTCACTTTGC
ATGGCTCTCAAATTCATATTAACCTTCCTACACTTTCTGATGAGGACAAGGAGGTTATATCAAGTTGGGGAGTG
CAAAACAAAATTGATTTCTTTCACTATCATATACCAGACATGCTGAAGATGTTGACAAGCTCGTGAATTTCTT
TCTAAAGTTGGGTGACCTCAGCCAAACCCAAATCTTTGTCAAGATTGAACTGTTGAGGGATTAACCCATTTTG
ATGAGATTCTACAAGCAGCAGATGGTATTATTCTATCCCGTGGGAATTTGGGGTATAGATC

>trans_s_1630 AF525761|Fagus sylvatica chloroplast OA region, partial sequence

TTCAAACACTTGACGCCCATTGCTGCATCCACTATGGTTATTTTCATATCCTCCTTTTTCTTTTCGTATTATTTTGC
TTACTATCCCTGCTGCTGTAGCATTATAAACATTATTATTACTCTTACTCCCGTCGGGATAAATCTGACCCCTTCC
CCTGTTCCCGCTACGTATATGGGATATTTTAAGAAGTGAACATCTTTCTTAGTCGCAGGGTCCGGGGAAAGA
ATAGGAAAGGTGATTTCACTATATTTCTGACCAGGAACAGGACCTATCACAAGAATATTTTTTTTTAGTGGGAC
GATAGCTCTGAAAAGAAAGATTGCCCATCTTTCTTTAATCTCGGGAGAAATACGATCGGGGGGGGCTAATTC
AAACCCCTCGGGTAAAATAAGAACAGCTTTGTGGGTCAAACCACCCTTTTTACCATTGCAAGAACTTGTTTCA
GTTGCATATCATAAGGAATTCGAACAACTGCTTCAAATACAGTATCAGGAAGTACCGCTTGTTGGAACCTCGAT
ATCCACGGGCTTATTAGCTAAATGGCAGTTGGCGCAGACAATACGGCCGGTTGCTTCTCGTGGATTTTCATAA
CCCTGTTGTGCAAAAATGGGATATGCATTTGAAACGGGTGCCCAAGTTATTATATATATCATGAGTGATACGG
AAATAGATCGAGTAATCTCTTCCTTTACCGAAGAAAAGGTATTTCTAGTTTGCATGGTCCAATCATTGAGCCCA
AAAATTTCTACAATAAAATTAGGTAGGTCCCTAGTATAGTTCCTATCCATGATTCTGCTATTTACTGAAATAAA
GTTACTCGAATATAGGAGGCATCCTTCGCATGGGTAGAAGGAATAAGTACAATTTTGAATGTTTTACTTATG
TACAAAGTAACAAACATTACAGTTTTCAGTCATTCATTGAATGATAAATCACTACAAGTGAGGGAGATACACG
ATTTAAATAACGGAAGATCCAATATTTTAGAACCTTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTT

>trans_s_1631 AB029549|Phaseolus vulgaris pvsbe1 mRNA for starch branching enzyme, complete cds

ACATTTTATAACCATGGCCTTAGGTGGGGAAGGCTATCTTAATTTTCATGGGAAACGAGTTCGGGCATCCTGAG
TGGATTGACTTCCCACGAGAAGGTAATGGGTGGAGTTATGACAAGTGTAGACGACAATGGAATCTGGCTGAC
ACAGACCACCTGAGATACAAGTTTTTGAATGCTTTTGACAGAGCAATGAACGCCCTTGACGAGAAGTTTTCTT
CCTTGATCAAGTAAGCAGATTGTGAGCTGGACAGGTGAAGAAGATAAGGTGATTGTCTTTGAACGTGGAGA
CCTAGTGTTCTGTGTTCAACTTTTCATCCATAAACACATATGACGGATACAAAGTCGGGTGTGACTTACCTGGCA
AATACAGAGTCGCACTTGATAGCGATGCTGGGGACTTTGGCGGATATGGAAGAGTAGGCCACGACATTGACC
ATTTACATCCCCAGAACGAATCCCCGGGGTGCCAGAAACAAATTTTAATAACCGACCCAATTCCTTCAAAGTT
CTTTACCAGCTCGAACGTGTGTGGTTTACTACAAAGTTGATGAAAGCAAGAAAAAGAGAAAGACGATTTA
GTTGGTAGTGTGCATGAGGATGTTTCTGCAAGGCATGTAGAGGAGGACAGTGAAGGGTTGGCAGGTCGCGA
AGAAGAGAATGACATTGCTGTAGGCAAGATTTCAAAGACCGAAGACGATGATATTGATACGAGCAAACTGA
AGAAGATGATGTTGACTCAAACAAGATTGAAGATTGCCAGTGAGAGGGAATAGAGCAAAGATATCTGATTG

AGTAGAAAACCTGTATGCTTTTACAAGTACAATGAGTTTCTAAAGGAAATATATAAACTAACTCAGCGTATA
CTTTAGCCAACTAAAGAATTCCAATAAGCTAAAGTCCACTTATAAATTTACTCTTAAGTTTTAAGTGCCACCTCA
TTGCACTTCTGGGGAAAGTTGGGGCAGTAAATTTTGAAGATAAAGTAAATTGCATTCCATTTTTCGTTTTATG
TTTT

>trans_s_1632 XM_002322589|Populus trichocarpa type-a response regulator, mRNA

ACCCTCCATTGTTTCCCTTTCAAAAACCCACCTAATTAACCTTCGTATTTCAATTTCTCTCTCAAAAATCCCCTTCTT
CTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGCTATGGGATCTTCTGTTGCTGCAATGGGCATGGTCCCCGACTCCAAATT
CCATGTTCTTGCTGTTGATGATAGCGTTATTGATAGGAAATTGATTGAAAGACTCCTTAAAACCTCCTCTTACCA
AGTCACTACGGTTGATTCTGGGAGTAAAGCTCTGGAGTTTTTGGGTTATGACCCTGGAAATGGCTCGATTCTT
TCTGTTTCATCTAACCATCACCATCATCATCAGGAAGTGGATGTGAATCTTGTAATTACTGATTACTGTATGCCT
GAGATGACTGGCTACGATTTGTTGAAGAAGATCAAGGGGTCTACAGCTTTGAGAAACATACCTGTTGTGATTA
TGTCATCTGAGAATGTGCCTGCCAAAATCAATAGATGCTTAGAAGAAGGAGCAGAAAGAACTCTTCTTGAAACC
GGTCCGACTTTTCGGATGTCAACAGGCTTAGACCCACATGTTAAAAACCAAACCTCAAATGTGACAAACTAGAA
AGAACATCAGAAGACCACCCTGATTCAAGCCAATCTCAAGCACTAGAACAACAACAACCACGTGAACAAGAA
CAATCACAACCGCTACTGCAGCAGATCTCGACATCCCTGCAAGATCAAGATCGAATACAATCTGTACCCTTCT
GCCAACACCACCACAGGAGCAAGAACAGTTGCAGTTACTCCCACCAACACCGCCTCAACAATCGAACAACAGA
AGGAAGGCAATGGAAGATGGACTTTCTCCAGATAGAACAAGGCCTAGATACAATGGAATACCACCATGGTGT
AGCTAATATGGGAAAACTTTTTTCTTTTAAATTTCTTTATTTTATTTCTACCCATTTTCATCTCAATGCTGG
ATAATACAGGCTCTCCTTAGGAATGTAGAGAGCGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1633 AF180942|Arabidopsis thaliana RPP5 disease resistance locus, main contig

AAAGAAAAAAGCTTAAAAAAGGAAAGAGAAAGGGAAGGAAAATCGGAGGAAAAAGAAAATGTCTGAA
AGAGAAGACTCTCCTCATCATCATCTTCATCATCATCTTCCTCCTCTCCTCGTGAATCTCTCTGTTTCTTCTT
CAAAATCCTTTTCCATTCCCTTCAAATCTTCTCCAGAAACAAACGCCATTTCTCTCCATCTTTCTCCTCCTCTC
TCCCTCTCTCTCCTCCTCTTACCCTTTCTCTCCTCTCATCTCTCAAATCCCACATCCTCCACCTCGAATCC
GTCCTCCGCCATTCCCCACCCGTTTCGAGTTCCGTCATGTCTTCTCCGAGTCCCGTAACGACGCTTTCTCCCTC
CTCCGTCTTCGTGCCGCTTCTTTCTCCCATCTACGCCTTTTCCCTCTTCTCGCTGTCTCCACCGTCTCCTCCAC
TCTTCTCTCCATCCAATCCAAACCCCTTCTCTCAAATCCCGCTCTCTCCGGCTTCAAAAACCTCCTGGACTCGTCC
TCTTGATACCACGATTTGCATCTACACGATTCTCGTAGCCTACTCTATTGTGCCTAACACGCTCGCTTCGATTTCT
TCCGTCTCCGGCTTTGAGGTTTGTGGTTTTGGTGGTTTGGCGTTGTTTTGAGGTTATTTGATTTCAATTATGAGT
TTAGGGCTTGTGTTTCGATTGCCGAAGAGAGATTTGGTTTTGATGCGATTGTTATGCGGCGGCGTTGATGG
CTGATCGGAGATTGAGTGGTTCGATTCTTACAGCGATGTTTCTTTTTCGCTCGAGTTTGATCTCGTCGGAGATG
GAGGGGCTTATGGATGGGGTCGATCATTGGATGAGATCGACGGCGGCGGTGACGACGAATGTGGCGGTGA
GCGTTGGGGATAAGATCGGGGTAATTTCTTTGTACGGTATGGTAATTATTTTCGGGTATGTGGTAACACGGTT
TTTTACTGTGAGTGTAGGAAGAAGGATTTTTGTAGGGTGGAACGAGAGGATC

>trans_s_1634 AY070475|Arabidopsis thaliana AT3g04610/F7O18_9 mRNA, complete cds

TGAGATGCAAGCGTTATGGATAAGCAGCCCCATCATGGAATTTCTGCTTATGGAAGGGAAGCTCCTATGGG
TGTTTCATGCAGCATCAAATGCACAGTCGGCGCCATCAATTGTAACCCAGACAACTCATCAAATGCAGATCCCG
TTATCTTTTTCGGATGCTGTAATTGGAAGTCTGGTGCTAGTATTACCTACATTCGTCGTGCTAGTGGGACAAC
ATGTTACTATTCAAGAAACGAGGGGAGTCCCTGGGGAAATGACGGTAGAAATGAATGGAAGTCTTCTCAAG
TTCAAGCGGCCAGCAACTTATACAGAATTTTATGGCCGGTGCTGGAGCTCCAGCCAGCCTCAAGCCGGGGT
ATCAACAGACCAAGGCTACAACCTCATATGCTGCTCATGGTTCGGTGTACGCATCTCCCCCTGCAAAACCTGAA

GCTCATGCTGGAGGATACAGCTCTGTCTATGGTACGAATTATGGGTACTAAGCCTTTGGCCACTCGAACCACA
TCATCATTAGAAAGATTTGTATCATGTAGCCGTTTTTAAATCATCTTTTTTGAACATACTCTACCTGAACGACTT
ACAACCGTTCTCTAAAATAGCCTATTTGTGTGGTTTAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGC
CCCCCCCCCCCCCAAAATTTATCCAAACCCCCAACCCAGGGGGGGCCCGGGCCCAATTCCCCCAAAA
GGAGGCCAATTACCCCCCCCCCTGGCCCCCTTTAAACCCCCGGACGGGGAAAACCCCGGGGTACCCAA
ATTAAACCCCTTGGAACAAATCCCCCTTTCCCCCGCTGGGGAAAAAACAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTC
CCAACAATTGCCACCCCGAAAGGGAAATGGGAACCCCCCGACCGGCCATTAAACCCGGGGGGGGGGG
GGG

>trans_s_1635 U07053|Gossypium hirsutum vacuolar H⁺-ATPase subunit B mRNA, partial cds

AGGACGTAAAGGATCCATCACTCAAATCCCAATCCTCACCATGCCTAACGATGATATTACACATCCTACTCCCG
ATCTTACTGGTTATATCACTGAGGGACAGATCTATATCGACAGGCAGCTCTACAACAGACAGATATACCCACC
AATTAATGTCCTCCCTTCATTGTCTCGTCTCATGAAGAGTGCCATTGGTGAGGGAATGACCCGTAGGGATCAT
GCTGATGTATCCAACCAGCTCTATGCAAATTATGCAATTGGGAAGGATGTTTCAGGCCATGAAAGCCGTGGTCG
GAGAAGAAGCACTCTCTCTGAGGATCTGCTCTATTTGGAGTTTTTGAGTAAATTTGAGAGGAAGTTTGTCACT
CAAGGAGCTTACGATACTCGAAACATTTTCCAATCACTTGACCTGGCATGGACACTGCTTCGTATTTCCCTCGT
GAACTTCTGCACCGTATACCTGCAAAGACTCTTGATCTGTTTTACAGCCGAGAATCTGCAAATTGAAGAACCAA
AGCTCTTATATACCCTTAAGAGGCCGCGTAGATAGATCATAATGAGCTTGGAGAAATGTTATTTTCAGTCTCTC
CCCCCTTTCAGTTTTCTCCCTTCCCTTCTCTCCATATTGCATAAATTCAGAGTGAAGAATAAAAGACCCAAAAA
GAAAAAAAAAGTTGTGTCCATCTCATTCTCACAGTTGAGCCTCTTCCAGGTGAAGTCAGAATGGGAACCTACATT
CTTTTAGCAAAGAACATCAAGCTCTTCCAATGTTTGTATAATGTTTAATTATTTGTTGGATTGTGGCATCTGTTT
TACTTTAGGGCATGCTCAACAACCTTTAGGGGCATCTAAGTTCTTATAAAAAGGCCCTTCCAATTCCTCTTTCT
TGTCTATTTATATAAGTTGATGTATCATATCTTGTATTCTGAACAGTTTTGAGAATTCCTGAAGAGTTTCAGT
TTGATGTTATTATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1636 AF375452|Arabidopsis thaliana AT4g27450/F27G19_50 mRNA, complete cds

ATCGTTTCTTTTCCAAATCCAATCAAATCTTAAATTTGTAGTAAAGTGAAGCTACAACATCTATCTGTATAGATT
GAAGATGTTAGCCCTTTTCGATAGCCAATCCGTTCCCTCACCACCGGAGCTTCAAAGTCCGGCGTCATTTCCGC
TACCAGCGCGAAGCCCAAACCTCCTCGAGAAATCTCGATCATTTCTTTCTCCGGTTCTCGTGGAGCTCTG
TCTATGTCTTTTGAAATGCAGCGTCCATAGCGTTCGATCCATCTGCATCTCATTCCGCTCACCATCAAATGTTG
TTTTGTGGCTTAGATGAAATGTAAGTGTATGTTCAAGGGGAGTTTGAACAACCTGAGTCGGTTGAACAAGCAGT
ACGGGCTTCAAAGCTACGAATGAAGCCATGTTTCGTGATCGAAGCTTATCGAACCCTAAGAGACCGTGCGG
CATACCCAGCCGATCAAGTTCTTAAAGAACTCGAAGGAACTTCGCCTTTGTGGTTTTTGACCGCAAGGCCGG
CTCTGTATTTGCAGCTCTGGATGCAAATGAGGGAATGGATTGTATTGGGGGACTGCCGCCGATGGCTCTCTT
GTAATATCGGACAAGTTGGAGGTGATTAAAGCTGGATGTGCCAAGTCATTTGCACCATTTCCACCTGGTTGTA
TGTTCCACAGCGAGAGAGGGCTAATGAGTTTCGAACATCCGACAAAGAAGATGAAGGCAATGCCTAGAATTG
ATAGTGAGGGAGTTATGTGTGGGGCAAACCTTAAGGTTGATGTCCAATCAAGGGTTCACACCATGCCACGTGT
CGGAAGCGAAGCCAACCTGGGCAACCTGGGGTTCACATGCCTGATTATTCATTCTACTTATTTCTGTCTTTTTCT
TTTTCAAGTTTTCATGTTTGTATATTTTTGTTTTTGCGCTTCCGGAAGCTCTATTTGGACTTTCAGAGTTTTCT
CTAAGATTCGATTAATGAAAAGCAAATGTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1637 NM_123127|Arabidopsis thaliana ATARLA1A (ADP-ribosylation factor-like A1A); GTP binding (ATARLA1A) mRNA, complete cds

GGATCCTCACCTTTGGACAAGCGGACAGTACACGGATAGAACATTTTGGCTATCGAGGTTTACCTTGAAGAAT
GGGTCGCTCAAGTTTCTGTCTTTCTTCTCCGTTACTCATCCTTTTCGTCTATGAACATTTCTTCTTCTTAATA
TACTTCCAGAATTTCCATTCCTTCAGTCTCTTTGTTGATCAGTAATCAAGAGTTCTTCACACTTCCATTCA
TTTCTGGAAATGGGTTTCTTCGATTCCATCCTTAATTGGCTCAGGAGCCTGTTCTTCAAACAGGAAATGGAGCT
CTCACTTGTAGGACTCCAGAATGCTGGGAAAACATCTCTGTCAATTCTATTGCTACGGGGGGCTACAGTGAG
GATATGATTCCAACCTGTTGGGTTAACATGCGAAAAGTTACAAAGGGCAATGTAACAATAAACTTTGGGACC
TTGGAGGGCAGAGGAGATTCCGTACAATGTGGGAGAGATATTGCCGTGGTGTGACTGCAATTGTGTATATAG
TTGATTCTGCCGATAGAGACAGTGTCCCATATCAAAAAGTGAGCTCCATGAGCTCTTAACAAAACCTTCTTTA
AGTGGAATTCCTTTGCTTGTGCTGGGCAACAAAATTGACAAATCAGAAGCACTTCCAAGCAGTCATTGGTCG
ATTTGTTAGAACTTGAGACAATTCGTGACAGAGAGGTGTGTTGCTACATGATCTTGTCAAAGATTCAATAAA
CATTGATGTGGTGATCGATTGGCTTATCAAACACTCGAAAACAGCAGGATGATTGGTTTTATACCTTGTATTTT
TCTTGCTAAAGTGTGATGAAGTTCAAAGCAAGCTGTAATGTGTAGAGGGTTGAAGTTTATAAAGCTTAGCT
ATTCTTGTGTTGTTGTTAAAAATATATTGTAATTCAAACATATTGTTCTTCTTTATAAAAAACAAAAA
AAAAAAGAGAGAGAGATAGTTTATGACAAAAA

>trans_s_1638 AY104258|Zea mays PCO079129 mRNA sequence

ATCGCCTGACATTTAAACAAATTAACCCGCAAAGCTCGCAAGAACTGATCGCGGGTCATACCAAGGTTTCTTC
TTCTTTACTTCTTCCCGGCCTTGCTCGGCAGGTGCAGAGTGAACACAGCCATGGTGACGTCGCCGGTGGTGAA
CACGTATCCACTTTCCAGCTATACCTTCGGTACCAAAGAGCCGAAGCTCGAGAAGGACACCTCTGTCGCTGAT
CGTCTTGCTCGCATGAAAGTCAACTATATGAAGGAAGGCATGAGAACAAGTGTGAAGCAATTCTGCTGGTG
CAAGAACATAAACATCCCCACATTCTACTATTGCAAATAGGCAATACCTTTTGCAAGCTCCCTGGAGGACGGTT
GAAGCCAGGAGAAAATGAAATTGAAGGTTTAAAGAGGAAGCTCACAAGCAAACCTGGGTGCAAACCTCGCCCTC
ACTCCAGCCTGATTGGCAGATTGGTGAATGTGTGGCGATTGTTGGTGGAGACCAAACCTTGAAACTGTGATGTAT
CCTTATTGCCCCCTCATATTACGAAACCAAGGAATGCAAAAAGCTTTTCATTGTTCACTTGTCTGAAAGAGA
GTACTTCGCCGTTCCCAAAAATTTGAAGCTGCTTGCAAGTCCCTTGTTTGAGCTCTATGACAATGTGCAGAGAT
ATGGACCAGTTATCTCGACGATACCGCAGCAGCTTTCAGGTTTCAGTTCAACATGATCACCACATGAGGTTAC
AGTACAAGAGCCCCTTAAATTTGTAGCAGGAATTGACTTCGATTTGCTTGAGATAGTTAGAAAAGAACTTAG
AGGACATTATCAACCTTGCTTGAGATAGATTAGCATACTTGATAGACTTTCTTGTTCTTGACCTTTTTGTGCA
TGTGTTTGCAGGCAAAATTATGTTGCTTGTAAACAAGATTCAACTGAGTTTGTGTATCATTTTAGCACAATTAA
AGTTTTAGAAGTGAATGTATGTCTATTGAATCAATTCTTAAAGCCAAAGGCAGGATTGCTAAAAA

>trans_s_1639 U77935|Phaseolus vulgaris DnaJ-like protein mRNA, partial cds

CATCCAATTTCAACTCCCACAAATCGAAAATGCTATCTGCCTCTTCTCCTTACTCTCCACCTCTTCCAGTCCG
TCCCTCTCCCCGGGATTCTACACGTGTCAGATTCCGACCTCCACAGGCCTTCTCCTCCACCGCCACTGCTTCTC
CACCGCCTACGCCTCCAGACAGGACACCGCCTCCCCTTATCTCAACCTCAAACATATGCCTTCTGCACTTCCCT
TTACGAGGTCCTTGGTATCCCTACCGGAGCTTCTTTTCAAGGAGATCAAGTCCGCATACCGTCGACTTGCCAGAC
TTTGTCACCCGGACGTTGCTGCCGTCGACCGGAAAGACTCATCTGCCACCGATTTATGAAGATCCACGCTGCT
TATTCCACTCTCTGATCCTGAGAAACGCGCTGATTACGATCGGAAGCTTCTCCGTCGGTATCGGCCTGTGGC
TTCTGCGCGGATGGCTTCTGGTTTCACTGGATACACTCGCCGGAATTGGGAGACAGATCAGTGCTGGTGACG
AGTTGACTCACTGAGTGATTGAAGTCGAAACTGAAACGATTGAGTTTGTGAGAAGCTTGAAGCAAATTAATG
ATGACCCAAAATTTGGGCGACATATCATAGAGCGCCGGAGTCAAATCGGAATCGGAATCACTGCTTTGATT
GTATATATAATGAAATAATCAAATGGCGCAAGTGATTGAGAGAGATGAAAATCCATGGAGGGCGGAGGA
ATCGAAGCTTTTCTGCAACTCACCGGAACTGAACTAGCGGCCATTCTCTGATTATCTCGACAAGGACAGAGAT
TTGCTTTCAGATCTTCAGGAAGAAAATTTAGTTCTCGAAAATCAAATCACCAAGTTAAAATCAAACAGAGGA

AAATTCATATATCTTTTCCTAGTTTTCCTTTGGGTATCTGTTTTCTTGGCTATGTACAGTTTCGATTTC AACGAA
ATAAAATTGAACGAAAGTCAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1640 AY365248|Cucumis sativus 60S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

GGGCCGCCATTCTTCTTCGTCTTCTCCTCCGCTCGCGGCTTAAGCGAATCTACAATGGCTTTTGCCAAAGCTCA
GAAAACGAAGGCTTACTTCAAGCGTTATCAAGTAAAGTTCAAGAGAAGGAGAGAGGGTAAGACTGACTACCG
GGCCCGAATCCGTCTTATTAATCAAGACAAGAACAATAACAATACTCCCAAGTATCGATTGTGTTGCCGAACCT
CGAACAAAGATATTACGGCTCAAATTATTTCCGCAAGCATTGCTGGTGACTTAGTCCTTGCTTCGGCTTATTCT
CATGAGCTTCCCCGATATGGGCTTGAAGTTGGTCTCACCAACTACGCTGCAGCGTACTGCACTGGGCTTCTATT
GGCTCGACGGGTCTTGAAAATGCTTGAGATGGATGCTGAATACGAGGGCAATGTTGAGGCTACTGGTGAAGA
TTACTCAGTTGAGCCAGCAGACACCAGAAGGCCATTCCGTGCTCTCCTTGATGTTGGGCTTATCAGAACTACAA
CTGGAAACCGTGTTTTTGGTGCTCTGAAGGGAGCTTTGGATGGTGGATTGGACATTCCTCACAGCGACTAGAG
GTTTGCTGTTTATACCAAAAATAGTCAGCAGCTTGATGTTGAAGTTCATAGGAAGTACATTTTTTGGTGGACAT
GTTGCTGCCTACATGCGCACCTTGATGGAAGATGAACCGGAGAAATATCAATCTCACTTCAGCGAATACATCA
AGAAGGGCATTGAGGCTGATGACCTTGAGGGGCTATACAAGAAAGTTCATGCTGCCATCCGCGCAGATCCAA
CAGTGAAGAAATCTGACAAGCCACAACCCAAAGCACACAAGAGGTACAACCTGAAGAAGCTGACATACGATG
AAAGAAAAGCCGTTTGGTTGAGCGCTTGAATGCACTTAACTCTGCAGCAGATGGTGATGAGGACGATGATG
ATGAGGATGACGAGTAACCCGTCCCCCGAGTGGTAGTCTCTAATGGTAAGCGCTCTAATCTCTAGTAGCTA

>trans_s_1641 NM_121147|Arabidopsis thaliana serine-rich protein-related (AT5G11090) mRNA,
complete cds

AAACTAACGCCCCGAGGGGGCCCTTTGAGGGAAGCACAACTAAGAAGCTTCTTCTTTCTTCTCCTTTTTCTTC
GCTCTCTTTCTCTCTCTCTCTCTAATGGTGACTTCATCTTCTCCTCGAAAACCAGATCCAGTGGCCCGGTG
CTCCGGTCACTCTCACCGGGCGGCCGATTCTGTAAGTCTCCTTCTTTGTCCTCTTCTCCCTCAGCGTTTGCTTCAT
CTTCAAGCTTTTACTCGTCTTCTTCCACTTTCCGTACGATGACCATCGTGATTTTCCCACTCATAATCATCAAC
TAGATCCACATCTCCAGCCGTGTTAATGTGTATTATCTCTCTTACGCCTTCTGTCCGTTTTTTTATTGAT
AATCGTTTCGAGTTCTCCGAATCGATCGGTTATCGTTTCCAGGAAAAATAGGCCGGTATCCAACGTCAAGAGGA
CTTGATGTGCTCTCCGACCACGCATCCAGGCTCGTTCGGTGAGTCTTCATAAAAACGTTTCGAGTGGCGGT
GGCCATAGTCAAATGGTGTCGTTTCTTCAACCAGATTGAATATGTGGAGGTCGGCTATGGCGAATTTCGATCG
TAAGAATCGGCGGTGTGGAAGGAGAGTTGGTGAAACGAGCATTGACCACGCTGATTGCTCCTTCTTCGCATC
AGCAGAGAAGGAGAGCGGCATTTCAACCTAGATCTAGTCGTCTCTGTGTCATGTCGAAAGCCGACGACGCTTG
AAATTGCAGAAGGTACGGTGATGTCTAAACTTTATGATCTCAGGTTTCGACGAAGTGGATCGGTTTGTGAACG
TTTCTGATTAAGAATTATAGAGAAAAAGAAACACCACACGCAGAGCATAATCTTCGTGAAGGAATCAGTGGTG
AAATCTAGTAGAATCAAAATTCAGATTGTGTTTGTGTTTACTGAGTTTGTGACTCGTGATGAGTTCAGCTTTT
GATTTCAAGCGGTACTGGGTGCGCTACCGAGTTTCTGCTATGTCTTTTCGCCAAG

>trans_s_1642 XM_002879344|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family
protein, mRNA

AGAGCCTTGAACTTTTGGGGAGTGCTTTATTTGGGGTAGGAGAATATAGGGCTGCCGTAAAGGCATTGGAA
GAAGCCATATTCATGAAACCGGATTATGCTGATGCTCACTGTGATTTGGCATCGGCTTTCATGCAATGGGGG
AAGATGAGAGAGCAATTGAGGTGTTTCAGAAGGCAATTGACTTGAAACCTGGTCATGTAGATGCTTTGTATAA
TTTGGGTGCACTTTACATGGATTTAGGTAGGTTCCAGAGAGCTTCAGAAATGTATACTAGGGTTTTAGCTGTG
TGGCCTAACCATTTGGCGGGCGCAGCTCAACAAAGCTGTGTCCTTGTTGGGTGCTGGTGAAACTGAGGATGCT
AAGAAGGCCTTAAAGGAAGCCTTGAAAATGACAAACAGGGTCGAATTGCATGATGCAATATCGCATTTGAAG

CACCTGCAGAAAAAGAAGTTGAAAACCAACTGCAGTGCAAATGGAGAAGGGTCTTTTATAGTTGTGGAAGCC
TCGAAGTTTAAGAGCATTGGAGAGAGGACTGTTTTGAGACCGGAAGTGTCAAATGCTCTTGAAATCAGGGCTT
TTCAGAAGATTACTAGATTGAATCGTTGTGACGTGGAAGTTATTAAGAAGGAAATCAGTGAACATGATGTGCC
AGTGTCTTATTACAGGCAGCGGTGTGCCTGAGAAGTCCATACGCAAGCCTAGCTTGGAAGAAATCTTCGTAGA
TTATTGAATTTCTGAAGCCAGAAACCTTCCAAGGAGCTGTCAAGGTTATCAACGAGAGGATACTTTCTGTCTT
GGATGAGTCAGGATCAGGAAGGGTGGACTTAGGCCTGTTTTTCGCCGTTCTTGCTCCCATTTGCACTGGCCCC
CCTGAAAAAAGGAAGCGGGTGGCATACGACGCCCTTGTATGGCGACCCGTGAACGATGGTGGTACACAAATC
AGACAATTTGATGCAGTCAGGTATATAAAATTGTTGAGGGCCATATATGTTCTACTCAAGGATCCAGCGAAA
TTCT

>trans_s_1643 NM_105735|Arabidopsis thaliana caleosin-related family protein (AT1G70670)
mRNA, complete cds

AGGGGAAGAAGAGGAAGAGAAAAGAGAAAGAGAAAGAAAAAGAAAAAGAGAAAGATCCCTTTCAAACGCAC
CGTTCTATTCCCAACTCAAAGTTAAAGAAAAAGCCCCCTAATAATAATAAATTCATCTTCTCGCTGTTCAATGG
CTGATCAAGTGTCAAACAATGCGTCGTCTCCCCCGCAAGCTCCGGCGGAGAAAGCGAGGAGGAGAAGAAC
GTTCTGCAGAAACACGTGGCGTTCTTTGATAGGAACAAAGATGGGGTGGTTTATCCATGGGAAACATTCATG
GGGTTCCGAGCAATTGGCGCTAATTTGTTTCTCTCCACTGTTAGTGCCGTTTTTATTAACCTTGGACTTAGCTCC
AAAACCCGACCGGGGAAGTTTCCGAATTTTCTATTCCAATTGAGATAAAGAACATTCAACTTGCCAAACATG
GAAGTGATTCTGGTGTATATGATTCTGAAGGAAGATTTGTTAGTAAGAAATTTGAAGAAATATTCAAGAAGCA
TGCCCTAACCTACCCAGATGCCTTGACAGAAAAAGAACTTAAAGCATTGCTTAAGTCAAATAGAGAGCCTAAA
GATTACAAAGGATGGGTTGCTGCATGGACAGAATGGACAACCTCTATAACCTTTGCAAAGATGAGAATGGT
TTACTTAAAAAGGAAACTGTGAAGGCTGTTTATGATGGGAGCTTATTTGAACATATGGAGAAACAAAGAGCA
TCAAAAAAGAAGAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAACGAAAATAAGGTTTTCTTCATTTTTCTTTGTTTACATAT
TTCTCATTTTAGGGTAAATTTATACTGTCATGACATGTAATCCTTTTTTTATTTTTTTTTTATCTTCTCTCTC
TTTTAGGATAAGAAAATGTTTAATGTTAAAGTTGTTTGATTCAATTTATATGGACTTTGTGTGGAATGGTATAAA
GATAAATAAAATTTGTTTGCGTGTGAGATTTATTTCTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1644 GU339491|Cucumis sativus homeobox-leucine zipper protein mRNA, partial cds

GCATCGATAATTTTTATCCAATGCTAAAGATTTCGTCTGTCTCCTCATTCTTTGCTTTGATTATTAATCCACACAT
CGCCACCACCAACCCATTTCCCCCTCTCTTCTTAAACCCCTCCCTCATCTTCTCCATCCAACACCAAAACCTT
TCATACCCCAAATTTCTTCATTCATTCATTTCTCAGATGGGTTTTGATGATCTTTCTAATACAAGCCTTCTTCTT
GGTTTGGGATTAACACTTCCCTCTAATCCTCCTCATCTAATTTCTCAAAGGCCAAGAAGCCACTCGATTGCTC
TGTTTTCCCCCTCCTGAATCCGAGCCCTCCTTAACCTTGGGGCTTTCCACCGTCGATACCTACCCTTCTGAAACC
CCTGATTTGTCTCGCAACCCTCGCCTCACAGTGCGATTTCTTCTTCTCCGGCAGCAGGGTCAAACGCGAAAG
AGACGTTTCCGGTGAAGAGATTGAAGAGGAGAAAGCTTCTTCTCGTGTGAGCGATGAAGATGAAGATGGTTC
TAATGCTAGAAAAAACTTAGGCTAACTAAAGAACAACTGCCCTTTTGGAGGAGAGCTTTAAACTTCACAGT
ACTCTTAACCCTAAGCAAAAGCAAGCCTTAGCCAGAGAGTTAAATCTCCGGCCTCGACAAGTTGAAGTTTGGT
TCCAGAATAGGAGAGCCAGGACAAAGCTTAAGCAAACAGAAAGTAGATTGCGAGTTTCTAAAGAGATGCTGCG
AAACGCTAACGGACGAAAACAGGAGGCTACAAAAAGAGCTACAAGAACTGAAAGCCTTGAACTAGCACAG
CCTCTGTTTCATGCAATGCCGGCGGCGACACTCACTATGTGCCGCTTGTGAGCGGATACGGCGGTGGCGCC
GCCACGGTTAACGGCGACGGAAACTCGAAGGGCCATTCTCGATGGCTACCAAGCCCCGTTCTACAAAGCA
CTCACCAAGCCTTCGGCTGCTTGCTAGTATTATGAGTGGATACGTATTAGAATTTGGCTAGCCC

>trans_s_1645 NM_104706|Arabidopsis thaliana potassium transporter family protein
(AT1G60160) mRNA, complete cds

GACTCTATCTTTGCCTCGTTTTGCTCAATCCACCACGTTCTTTTCTGCTGCTTTCCACCAATCATAGGTATGCTCAAC
AGGGAGTAACTGAGCACGAAAGTTGAGGGTATCCAAATTCTTTGAAGATATGGAGGATGGAGATCGAATTG
AAGAAGGTAGCTCTAGATTGCTGCAGGGTAGTAGCCTTACTGGCAGCAGTAATGATTACAGGTGGGTTGATG
GAAGTGAAGTGGACTCCGAGTTGCCTCCATGGTCGATTTTTGAAGATAGGGAAAGCGTGGGAAGCATCTGGAT
CTATCAGAAGGAGGTTGATTAAGAAGCCCCAAGAGAGTTGATTCTTTGATGTTGAAGCAATGGAGATTGCCG
GTGCCAATCCTCACCATTAAAGGATGTTTCCATTTGGCAAATATTGCTATAGCCTTTCAAACACTTGGTGTG
TATATGGTGACATGGGTACAAGTCCATTATACGTTTTTCTGCTGATGTATTACCAAGGTGCATATTGAGGAAGAT
GTTGATGTCTTGGGGGCTCTTTCCTTAGCGATTTACACAATTGCTCTTATCCTTTGGCAAATATGTTTTGTT
GTGCTCAGAGCCAATGACAATGGTGAAGGTGGGACATTTGCATTGTATTGCTTATCTGTAGATATGCCAAAG
TTAACTTGCTGCCAAACCGTCAGCCAGCTGATGAACATATCTCAAGTTTTAAGCTTAACTACCCACTCCAGAG
TTGGAAAGGGCCTTGAATATTAAGAGATTCTGGAGAAAAGATCATCCTTGAAAACCTTATACTGCTGTTGG
TTCTGATGGGGACTTCAATGGTTATTGGGGATGGTATTTGACTCCGGCAATATCAGGTCTTGATGATTGACG
TCTCTTTTTTTCTCACGTAATAAACCAAAAAATCTCTTTATCGAACCTACACAATAAACCATGAAAAGAGAAT
TTTTAAGCATCCTGTCTAATTAATGTGCCAACTGGGAAAAAGTCTCGTGCATGAATAGAAGGTT

>trans_s_1646 AB232685|Panax ginseng mRNA for ribosomal protein S4, complete cds

AAGAAACCCTATTTCTCTCCCACTAACGCCGGCGCCGACTCTGACTTTTAGCTCTTTCATCAGATATGGCAAGA
GGGCTGAAGAAACATTTAAAGAGGCTCAATGCTCCAAAGCATTGGATGCTTGACAACTTGGTGGTGCATTTG
CCCCAAACCTTCATCTGGACCTCACAAGTCAAGGGAATGCCTCCCCTTGATCCTTATATTGAGAAACCGACTC
AAATATGCCCTCACATACCGTGAGGTAATTGCAATTTAATGCAACGACATGTTTTGGTCGATGGGAAGGTCC
GGACTGATAAGACTTTTCTGCTGTTTCATGGACATTCTGTCAATCCCAAGACAAATGAGAATTTCCGGCTT
CTTTATGACACAAAAGGTCGATTCCGTCTACACTCAGTTAGGGATGAAGAGGCTAAGTATAAGCTGTGCAAAG
TTCGCTCAGTGCAGTTTGGGCAAAGGGCATCCCTTATCTGAACACTTTTGATGGACGCACAATTCGTTATCCT
GACCCTCTGATTAAGGCGAACGACACTATCAAGCTAGACCTTGAGTCTAACAAGATTGCTGATTTTCAATTAAGTT
TGATGTAGGAAATGTTGTGATGGTGACCGGTGGAAGAAACAGAGGCAGGGTTGGAGTGATAAAGAACAGG
GAGAAGCATAAGGGGAAGCTTTGAAACAATCCACATTCAGGATGCAACTGGACACGAATTTGCAACTCGGCTG
GGCAATGTGTTCACTATTGTAAGGGGACTAAGCCATGGGTGTCCCTACCTAAGGGCAAGGGTATTAAATTAT
CCATCATCGAAGAAGCCAGAAAGAGGCTGGCAAGCCAAGCCGCAGTTACCGCTTAAGACTTGGTGTATTGTA
ACTGTAGTCATCGATGAAAGGTCGGATTTTGCTTGAATTGTTTTGTTTTTGCTTAAGTAGATCTAAAAAAGGC
TGGTACTTGGTTATTTCTACTGCAATTGTGTGAAGCTACTGCTATGGTTTTGTCAATTCCAAGTCTCTTTTC

>trans_s_1647 NM_001058024|Oryza sativa Japonica Group Os03g0786500 (Os03g0786500)
mRNA, complete cds

AATTGCTTTTGTAGTTTGGTCTTCACTCGATAAGCTTCAAACCTCTCGATCTCTTCATTCACAAACACTCATTGTT
TGTTGTATTAATGCAACGAGGATCTTCCTTGGCTTCTTCAATCGATTGCTCCAACCTACCAACCACGCTCTTTTA
GAATTGGTCTTGCGGTGGGCGAAGCCTTGCCCGGGATTAGCAAAATATGGAGGAAGATAAGAAAAGGCAAA
AGCTTTGTAGCTTTTTGTTGGTGTAAACGGATCCATAGTTAAACAATGTCTTCATCGGAAATTTACGAGGAATCA
TATCTAGAATGTTACTGTGGAGCGGCGGCAAAACTAAGAATGTCTCATAACAGAAAAAAATCCATTCAGGTTA
TTCTACAACGTGCAAAGGAGTTATCTCAACAATGTGGTTTCTTTCATTGGGCTGATGAACCTGAACCATCCGA
TGATAGACATGCCAATGAAGTACTGATCAGAAATGTGTGTATTGTCCTCAACAGAAAGGTTGGATGAAATC
ATAGAGGAACATGAGGATGAGAAAGAAGAGTGGGAAAGGGAAAAAGCTGAGCTAACATTGAACTGTCAAC
TCTGCAAACCTCAGCTTGATGATATAAATAATAAGAATAAGGATTACGAATGAATCGTTTTCAATGCCCCCTTTTG
AGTCACTTTCCATTAGGGACGACGACGACAATAACGACACATTAGTTGTATATGCTTTGTAATAGTTCATCGT
AGATTATATGAAGTGAAGCATGAGATCATGTAAAAGACTTAGCTATCTATTTTGGTACTTGTGGAGTTTGAC

[illegible]

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGG
GGGGCGGGGCCCCAGAAAAATAAAAAAACCGGAAACCCGGGGGGGGGGGGGGGACCAAATCCCCCA
AAAGGGGGGGAAAAAAGGGGGGCCAGGGGGGGGGGTTTAAAAAAGGGGGGGGGGGGAAAAACGGGGG
GGAACCAAAAAAACGGGGGGGGAAAAACCCCCCTTCCCCAGGGGGGGAAAAAAGGGGCCGA
CGAAGGGCCCTCCAAAAAGGGGGGAACCCGGAAGGGGAAAGGGAGGCCCCGGGAGGGGGGCAAAAA
GGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGAAACCGAAGGGGGACCCAAAATTGGGGGGGGCCAAAAGGGCGGCCCTTT
TGGTTTTTTTCCCTTTTTTTTTGGCCAGGTGGGGGGGGTTTCCCGGAAAGATAAAAAAGGGGGGGGCCCTTT
GGGGGTCAAAAAAGGGGGTTAACGGGCCCCCCCCCCCAAAAAATTGGAAGGGGGGGGGGTTTCAGGAGGG
GGGCCACCCCGAAAA

>trans_s_1651 NM_001059159|Oryza sativa Japonica Group Os04g0386900 (Os04g0386900)
mRNA, partial cds

TTCAACACAAAATAAGGGACTGATTCACGTCTTTTCTCAAGAATGAATGATCTGAAGAAAATACGGCGACT
GATTGTCTCGCCATCTGCTTCCTTCGAGCCCAAAGGCTTCTGTAAGTGATTTGTACTGAAAAACGGTCCGCAGA
TGCAGTCAGAAAGGAATCCTCCGACAGAGCTTCCAACAATAGAGCCGCAAAATGGAGAACTATGCCCTTTC
AGGCAAACCTACCATGCTTTATTCTTTCTAAATCGCATGTTGCTCCCATATATAATTTGGTTTTGCCGGCTAA
ATTTCAATTCTATTTTACCTGCTATTGTCATCCCTGCGGTTCTTTTATGTCGAGGCAAGAAATGGAAGATAGATTA
TTATGGAAACAGACGTGGTAAGGCACTCGATTCAAAACAGTGGAGGAAATTTGTAAATGATAATTGTCTCAA
TCCGGAGATGCTTGTGTATTTGAGCTCTTGGAGTGCAGCAGCAGCATACTTAAATTTAGAGTTCAAATTCTCCG
TGGTGACATACCTTTGGAGCTGCACGACAAGTTCAGTGGGGAGACAAAAGAGACCCCATACACCTTGACTA
GCTTCCCTTTGTGTGGTTTCGTAGTTTTCAAAGTCCCGACTTGTGACATCATATTACGGTTCTAGAATCAGAC
AGCCTATTTGATATTTGTAAGTAATATGTAATCCTGTTTTTTATTATCTCATGAATGTACAACTGAAAAAGTTTT
CAAATTTTCATGGTTCTTTTTTAAAAAACAAAGTTTTCACTTATATTTCAATTTCTTGCATCTGAAGTAGGG
GGAACCTTCAATACATGTTTTAGGAAGCAGCAGGGGAAACCATAGATCATTATCCACTCATGCTTAGTCAATA
CTCCTTCCCCCTCCTGTACTGTGTGTTGTTGCAACTTCATTGCTTAAGCACGACTGCTTAAAGATTGGACATCA
AGTGAAGCTAAAGTTCAATGATTGTATTTGAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1652 AF370495|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g42780) mRNA, complete cds

AGTATTTTCCAGGCCAATTCGTTTCGTTTCCAGTTCAACGATCGTCCTCCTCCTCAACGATTCTCGTCTTCCTCT
TCTCAGACTGTGCCTGACAACCCGAGAAAGAAGAGATGTACCGAGTACGAAAAATTCCTTCGTTGGTTGATC
TTTGTGTTAACAAGCTATAGATAATATAAGGTTCTTGGGGATGTTGGCGAACTGATATACATCTTTTAGAG
CGTATTTTGCCACATTGCACAGTTGACCAATTAATGCATGTGGAGAAGAGTTTCAGAAGGAAGAGATCTTACTC
CAGTAACTGATAAATTGTGGAAAAAATTCTATGAAAGACAGTTTGGTAAAGAAAGTACCACTACTGTAATTGA
GAGGATGCGGCAAAAAAGGTTCGCATTTAGATGGATTCAATTATATGAGGCGAAGATGCAGGACATTGAAA
AGAATGAGAGCAAAGCTGCAGATCGAATAAAACAAAGCTACCTAAAGGAAAATGCCCCGAAAACAAAGTCGTC
AAATACAGATTTGCAGCAAGGTTCCCCCTTCGAGCAATAAGAGAAGCTTTGGAGGAAGTGGATATGGTTACA
ATGTGGCAAACACTAAGAACAAGATACTGAAGAAGGCAAAGATAGAAGTCCTTCAGAGTCAAGAGATGAAA
AATATAAAAGCATGGCGAAGAAATGCAGTGCAGAAGAGTTCTGATATACCTTCGACAAAGAAGCCAATGTTT
CCTGGAAGGGAATCCGCTTCACTTCTAAAAATACTTCCACTCATATGGCCAAAAGATGGTAGCACTTCTATTT
ACTTTTTTCTTTACCAAACGCAAAGTTCTGTTCTCTCACTCAGCTCCAATGTTGTATCTTCAATTTAGTTATCTC
ATGGTTCGAAAATTGCTCCTTTACCCTCTGACACTTCTGAAAAGCCATGTCCTGTGTATAATTTTATAATTCGTA
GTTTCTTCTCTTATAATGCAATGTTGTTTATTTTACACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1653 XM_002332284|Populus trichocarpa methionine sulfoxide reductase type
(PtrcMsrA4), mRNA

AGCCTTACCCTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAACTCTTCCTTCTGTTCCTTCCCATTTCTCCTTTGCTCA
AAACCCACTCCTAATTTCTCAAACCCTTCTCCAATCCAATTTTCAATCAAACCCATCTCTCCTTTCCCCAAA
CCCACCGACCCATTTCTTCAAACCCCTTCCATGAATCTCTTGAACAAGCTTGGTTTTGGCTCCAAACCCCTCGC
CGGAGTTGTCCGCCATTGCTCAAGGTCCCAGCATGACATTCGCGCCCTGGCCAGCAGTTTGCCCAATTTGG
GGCTGGTTGTTTTGGGGCGTCAATTGGGGTTTCAGAGAGTGCCCGGTGTGACCAAAACGGAGGTCGGGTA
CACTCAAGGGCATGTTCAATCCTTCGTATGAAGATGTTTGTACGGGGCAGACCTATCACTCTGAGGTTGTTG
GGGTTCAAGTATGATCCTAAAGAATGCAGTTATGAGTCTCTGCTTGATGCTTTTTGGGCTCGACATGATCCCACT
ACTGTTAATCGCCAGGGAAATGATGTGGGAACACAATACAGATCTGGCATATACTTCTACACTCCTGAACAAG
AGAAAGCTGCTCGAGAATCAATGGAACGCCACCAGAAGACATTGAACAGAAAGATTGTGACTGAGATTCTTC
CTGCCAAGAAGTTCTACCGAGCGGAGGAATATCATCAACAATATCTTGAGAAAGGAGGTCGATTGGGCTTCA
AGCAATCTGCTGCTAAAGGCTGTAACGACCCAATTCGCTGCTATGGTTAGTTAAGTCATTAGCTGGTAATGTTG
GTTTCAAGCTTCGACATTATAGTATTCTATATGCAATTATGACTAGATTAGACAAGCTCTATCAGACATACTTGT
AATAAGAATTCGAATGTGTGTATCTATCTGTAATTGGTTTGGCTTTATCAATAAATGAATACATATTTGCAACTT
ACAAGGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1654 BT024731|Arabidopsis thaliana At3g18990 mRNA, complete cds

AAGAATCAGTGGAAGACGGGCAAGTAGATCTGAAAGTTCATACAAACAGAGCCTCATACGCCGGAGATTGAG
GGAGAAAAATCCGGGGACGGTCGGCCGATTGTTTGTGGATTTGAACAAAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAACA
GAACCGGAGATTTTTTTGAATCGTTATGCTGAATGACTGATTTTCAGCTTTCCGAACGGGCGGTTTCAAAAGG
AAAATGCCGCGCCCTCATTTTACAAGCTTGTTCTTTCTCAACTATCCAAGCTAGGAAATTGAGACTCCCAGA
AACTTTGTGAGGTTGATCAGGGATGAGCTTTCAGCAGTTGCAACCCTTACTGTTCTGATGGCCATGTTTGGC
GTGTAGGTTTGAGGAAAGCCGACAATAAATTTGGTTTGAAGATGGATGGCAAGGATTTCTTGAGCATTACTC
CATACGGGTTGGGTATTTACTAGTATTCAGATACGAGGGAACTCAGCGTTCTGTGTTTTATCTTTAATCTTA
ATACATCTAAAATAAACTATCAATCGGCTGCTCTCAGTAGTAATCAAAGGAATAATTACAGCATTCAAAATCGA
ATCTTTGAAGAAATGGAGGATTATGATATTCCCGAAGCCATTCTTCCAATCAGTCCATGAATTCCGGTTCCTT
GCGGAATAAGCTATTTGGTGACGAATGGAATCTGCACCAATCAAATCTGCAAGTACGTTGCAAGCTGAGTAT
TTATCCACTAGAGATATTGGGGTTCAGTTTAGTGCTGTGGAGATTAAAAAATCTGCAGATGAGGTGAGATTCC
AGAATTTGGGTGATGATGCAGCACACAGGGGTAAAAAGAGTGGAAGCAAAAAGCGGAAATCGAGTCTAGC
GAGCACCATCCATCTGCTCATAATAGTGAAGATTTAGGAGACATTCGTTTTAGATTTTATGAAAGTGCTTCTGC
TAGAAAGAGAATTGTGACAGCAGAAAAAAGAAAAAGAGTTATCAACTCTGCAAAGCTTTCGAGCCC

>trans_s_1655 XM_002893551|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SGS domain-containing protein,
mRNA

AACCTTCTAAGCAAATCCAAAACCTTGGCTTCAACAAAACCCTCGTACCTTCTACAAATTTCCGATTCCAATTAC
CACACACCACGCAATCCCCTGTCCGCACAATTAACCCTTCATCTTCTTCTTTCAATTTCCACCTCCAAACACATTA
CTCTACTCTTCATTATGGCGGAAGACCTTTCTCTTGATTTGGAAGAGCTTCGTCACCTCCACACCATCGCCAAGC
GGCCTCGCATCGTCTCTCATTTCTCTCAGATTTCGACCTTAGAGCAGTTATCGAAAGAGTCTGTCCACAA
ACTCCCACTCCCACTCCTATTCTGTTTCTACTTCAGGTGCCAAGAGTGCCCATCAATTCACCTATTGTTTATACT
CCACTACCTGAATTCATTGGGATCAAGACAATGACAAAATGAAGATATATATATCGTTGGAAGGAATTGAGC
AAGAAAAAGTTGAAGCTGACTACAAACAGTCATCGATTGATATCAAGTTTCATGATGTCAAACGGAAGAATTA
CCGGTTTGCTATTCCTAAGTTGAACAAAGACATTGTTCTGAGAAGTGTAAGTTGCTTGTAACCAACACGG
ACTGTTATCACGCTGTACAAAGCTTCAAAGGGGAACTGGTTAGATTTGAATTTGAAGGAGGACAAGCTCAAG
CCGGGTCTTGATAAGGAACGCGACCCAATGGCAGGAATCATGGATTTAATGAAGAATATGTACGATGAAGGA
GATGATGAAATGAAAAGAACGATAGCGAAGGCGTGGACTGACGCCAGAACCGGCAAGACAGCTGATCCACT

TAAAGGGTTCCTTGAGAAAACGCCAGGGCAAATATAGTTACATCTTTAGGGATGATTATTCTGGTGGGTGG
ATGAGATCAGTGGACTGCAAGTTGGCCTTGCTATTTATGGTTTTGAATCTTTTGATTGTTAAGTTCTGAAAG
TGAGTGCTGTATAAACTTGCTCTAGTTCTTTGATCTATAAAAGGTTTCATATTTTGTTTT

>trans_s_1656 NM_001054829|Oryza sativa Japonica Group Os02g0778300 (Os02g0778300)
mRNA, complete cds

ATTCCCCTCCGACAAAAAGACTCCTATGCTGCAATTACTCTCTCTCCGGAGAATCACCGATCATAGGAATCGGA
GAGCCCAAATTGACGGTTTCGGAAGGCTTCAACCCTCACACTTCACCATCTAATTCGTCTTTCATCTCCGTTTAA
GCGTCTTCATTTCAAACATGGCAGCGGAGAGGCACGCCTCTTCGCGCGCAACATCATCTGAAGACAACGCGAT
GTTTCTTGACATACTGCATGAGGCACCGTTATTTGGTCATCGGAAGCCTGCAAGAACTGTTGGAGGCATAATT
TATTGTTTTGTTTTGGTAGGCTATGCTGCTCTGGCTATTGGAGCGCCATGGATTTTTCATCCTATAAAGCACTTG
GTTGAACCATTGCTCTTGCAATTGTCATGTCGTTCTCTTGATGCTCACAGGTATCTTTCAGCAATATCTAGTATA
CCAAGTCCACAAAATTCGTTTGCAAGGTTATTATAGCTTTAGCCAGAAGTTAAAGCATATTGTTTCGTCTACCTTT
TGCAGTTACTGCATATGGAAGTCTGCCCTTTTACTTGTGTCATGGTATGGGAACCTCAAATCAGTGCACCTTCGA
TCCCCATAATTTTAAGGTTGATTATGTTAATTGAAGCGGTGTGTGCTGGATCATTTATGATTATATATATCAGCT
ATGTACAAAAGTACAATTCATTAAATTCACAGCTGATGTTTTGAAGTCATTGTATTCTCCACTTCAGCAATCAA
GTTCTTTGGAAGATCTAAGGTATCATGATGTTGGTCGACTTTCTGATCAGCAAATGGCTCTGTTGCAATATCAG
CGAGAGAACCTTCATTTTCTGAATGAGGAGATTCTTCGGTTGCAAGAGTGCTTAAGTAAATATGAACGGTCCA
GTGATGGAAGCACGCCTCAGGTTGATCTTGCCCATATGCTAGCTGCTCGTGATCAGGAATTGAGGACACTTTC
GGCTGAGATGAATCANGTGACATCAGAACTTAGGCTTGCTCGATCCGTTATAGC

>trans_s_1657 D83070|Canavalia gladiata mRNA for high mobility group protein, complete cds

TGCTCAAATCAAACAGTTAACAGAGCATTTTTTTTTTGAACAGCAGTAGTAGGTTCTCTTTCTATCTCTAGCTG
CTTTCTGGGTACTCTTCCCCTTCTCTGTAGGCTTCAGGATAATAAAAAACCTTTCTTTTTCAATTTCAATGGC
GACTCAAGAGGTTAATAAACCTCCATCACTCCCTCCTTACCCTGAGATGATATTTAGGGCTATTGAAGCGTTGA
ATAGTGACAATGGCTCGAACAAGTCCACAATATCAAAGTACATTGAATCGACATATGGGAACCTGCCAACTGG
GCACTCATCTTTGCTCACACACCATTTGAACATGATGAAAGCGAGTGGGGACCTTGTTCTGGAAGAACAAC
TACATGAAGAGGGATCCTACGGCACCTCCCCGACGAGGTCGTGGCAGGCCTCCCAAATCGAAGAGCCCTCTTC
CACTCAGTTCTGCAATATCCCCACCAAAGCCGAGAGGCCGCCCGCCTAAGGACCCCAATGCACCTCCAAAACC
ACCAAAGCCAGTGCAGATGAAGGTATCTTCTGGGACTGGAAAACCAAGAGGACGACCAAGGAAATTCCTCTCA
GTCAGCAACCACGCCAGCTCCTCCGGCACCAAGTGGGAGGCCAGAGGTCGACCTCCTAAGGTGAAGGCTAC
ATTGACGGAAGTTAGTGTTCAACAATAGATTGTTGCAGTGCAGTTAATTGGTAGTGCTTGACTCTCCCTCTCT
CTCACTCTCTTATTTGTCTCTCTGTTGCTGTGTGGGCAGTTTGTAGTTGTAGTGCTTAGTTTTAGTTTGATGTGG
ATGTGGGTGTAATTCATGTAAAATGTGGTGTAGTGGTTTGTGAGGCTCTGTTGCTTTTCTATTTACAAAGTGAA
CATTTGACTGTGCTAATCATAATTTCTTCAGTGTTTCGATCCTTCAAACATTTTTTCATGCTTCAAACATGACACA
TCACATTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1658 NM_128443|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G28840) mRNA,
complete cds

AGCCCTGCCCCGAGTCACCATTTCAACTCCCCCTTACTTGACGGTCACCTTCTCTCTCTCTCTTTTCCCAATTT
CTGCCTTCTCCGACTCTATTACCGATAGTATTTAGTAATGGTCCTAATGGACCTCTTCTCGTATTCCATGCCACT
CCCCTCCATTTTTGATCAAAGGGTGCTTCCCTTAATGGAGGTCGGAGGCTGCGGCCAAGCCCTCTCTTGAGTTG
AGTTTCTTTCTTCTGCTCTGTTTTAGCGTTTTAAGCAGAGGAAGAAAGATGGGTGAGGGGCTGAGTTGCAG
TTCGAGTCATGAGAATGGATTGTTTAATGCTGTACAGTGTGGGGATTGTCAGATGGTTCAACTTTTGTTGAAT

AACCAACCGTCTTTGTTGCATAATACCACTCTCTATGATCGTCAATCTCCCCTTCATTTTGCTGCTGCTAATGGG
CAGATCGAGATCCTCTCTACTTTTGAACGATCTGTTAATCCGGATTTGTTGAATCGTCACAAACAGACTCC
ACTTATGTTGGCAGCAATGCATGGGAAGATCTTTGTCTGAAGAACTCCTTGAAGTTGGAGCAAATATTTTA
AAGTTTGATTCTCTTCACGGGAGAACTTGCTTGCAATTATGCTGCTTATTATGGCCATTTTGATTGTTTAGAAGCC
ATCCTTTCTGCAGCTCAATCAAGCCCCGTTGCTGTTTCTGGGGATTTGTACGATTTGTGAATATTAGAGATGG
TAAAGGAGCAACCCCTTTACATTTAGCAGCTCGTCAAAGACGACCTGAATGTATTCATATTCTGTTGGATAATG
GAGCTCTTGAGTAGTGCTCAACTGGTGGATATGGATGCCAAGGAAGTACACCTCTTCATTTGGCAGCTCGTGG
GGGGTTCCTGGATTGCATCAGGAAATTGTTAGCTTGGGGGGCGGATCGTCTTCACAGAGATTCGACCGGGA
CAATTCCTATGTAATTGCTATGAGGCGCACACGCGGAACCTGTGCAGCCTTGCT

>trans_s_1659 XM_002876331|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thylakoid lumenal 20 kDa protein,
mRNA

GACGTGGACGATACACTCAACTCTCATCATCGCCATTACCATTCTCCAGTTTTTCAATTTTTCTCCTTCTCAA
CTCTCTCAAATGGCCTCAGTCTCTGCTTTACAATTTCCCATCTTTCCATTCTCTACCTCCCACAAACCTAAG
AAGAAACCTATTTCTCGTCCATCTTCTCTCAAAGGGTTCTCAATTCGTGCCCCGACGGGAGATTTTGAAAGG
ATTAAGTCTCTCTCTCTTTTCCCTCTTTTCCAATCCTTAAATCCACTTCCTTCTCTATCCAAAGAGATCGAAG
TTGGCTCTTATCTCCCTCCCTCACCTCTGACCCTCTTTTTGTCTTCTTCAAAGCTTCCCCAAGTGACACCCCGGC
TCTTCGTGCAGTTCTTTGCAGGAAATGTGCAACCATAACAGTTCATTCTGCCCCAACTTGGAACAAACGCGC
GTAGCTAATATTTTATCTGGTAATTACTGTCAACCAAGTGTGCGGAGCCTTGGGTGGAGGTAAAATTTGAAG
ATGACAAACAAGGGAAAATCCAGGTAGTGGCTTCTCCTTAATACGTCTGACTAATAAGCCTAATGCTACAATT
GAAGACATAGGTAGCCCTGAGAAGGTAATCGCTTCTCTTGGCCCTTTTGTACTGGAAGTACATACGATCCTG
ACGAACTTCTTGAATCATCGGTGGAGAACTTGGTGATCAAACGTATTACAAATACACATTGGAAACTCCTTAT
GCTTTGACGGGTACACACAATCTGGCTAAGGCAACGGCAAAAGGAAGCACCGTTGTGTTATTTGTGGCCAGT
GCTAATGATAAACAATGGCAGGCTTCTGAGAAAGTTTGAGAACCATGCTTGATTCTTTTCAGCTCTAATTCCT
TTCAACACTACATTCAAATCAGGTAATATGTGGATGGAAATGTGAACCATGATCTTTTTGGTGGAGGCCAA
GTTTCTCAAGATGGGCCTTCTCACCTTGATTTTATTTTTTTTACGTTAGT

>trans_s_1660 FJ822036|Glycine max cultivar Sinpaldal 2 DnaJ-like protein (DnaJ) mRNA, complete
cds

AGAAATCTCTCGAACTTTCCTTGTACATATCATCTGCAAGATATTTTCATCTCTCTTTCTCTTCTTTCTCTTC
TACCGTCAATTCGCCCTTCCGTATTCACCACACGCCAATCCTTGAAAAACCAACGCAACCAACTCTCAAATTCT
TCTTCTTCTTCTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCAACTCCGCAACGCTGTTATGGTGATCTGAAAGTCGTTTTCA
GTTCTATTTTTCGGTCTTCTGGTTGTGTTTCAAGCTGATTCAAGTTTTTGATGGATCGGGGAGGAGGATCCGAC
GGCGGGGCTTGTTATTACACTATTCTCGGTATTCTGAAGGATGCATCTCTCTGATATCCGTAAGTGCCTATCG
CAAGCTTGCTCTGAAATGGCATCCGGACCGGTGGATGCGGAATCCGGCGGTGGCTGGAGAAGCGAAACGGC
AATTTCAATTAGTACAAGAAGCGTATTCAAGTCTCTCCGATCAGACGAAGAGGTCGTTTACGACGCCGGGCT
TTACGATCCGACGGAAGAAGACGATGAGGAATTTGCGATTTTATGCAAGAGATGATCACGATGATGAACAA
CGTCAAACCGGAGGGTGACAGCTTCGAGGACCTCCAGAGGATGTTTATGGAAATGGTCGGTTCAGATGGCGT
GGGAATGTTCAACATGAACGACAATCCAACGGCCTCGAAGAGGCCACGTCCCAACGGCTCCAGATCTAGCGC
GCCCCAACGTAGCTCCTCTCGCCGCTAAGATCTTTTATTTTCCATTGAACAATGACGAAAATATCCTTAGCTGA
CGTGGAATAATTTCTGGGTTTGTGAAGGGCAATTCGGTAGGTTTTTAATTTAATGTAATTTAGAGCAAGGTCA
AGGGGCTTTATTGTCTTTTCTTGCTAGGGAATCTTTGCTTTTCTTCTATTTTATTATATTAATAATAATTATAT
AAGCTCATCCCTCTTCTCTGATTGGCTTCAACCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1661 Z25862|*S.tuberosum* mRNA for T subunit of glycine decarboxylase multi-enzyme complex

```
CCGCTTTAGTTCTAAGCAGATCGGAGCCCGCAGTGAGCTTAGGCTCAAGTCCGGCGTCGTTTCGATGAAAGGC
GGCGATGGTGGCTCACGATCGAGGATCTTCCCGAACTCAGAATAACTTAGACTGATCCACAAATGCTCCTTTA
GGCTGTCTGATTGTTTCTTTGAAGAACTAAATTTGAACGGCCTACAAGAAAACCCATATCTATATTTTAGAGT
AGCAAGATGAGGGGAGGTTTGTGGCAACTGGGCCAATCAATTACCCGCCGTCTTGCGCAGACTGATAAGAAG
ACTGTGGGACGTGATTCTTTCTGCAGAGTCTGAGCTCAAAAAAAGTGTCTATATGATTTCCATGTTACTCAT
GGTGAAAGATGGTTCCATTTGCTGGATGGAGTATGCCTATCCAGTACAAGGATTCAATAATGGATTCCACTG
TAAACTGCAGGCAGAATGGTGGACTCTTTGATGTCTCCCATATGTGTGGACTGAGCCTTAAGGGGAAGGATTC
TATCCCTTTCCTCGAGAAGCTTGTTGTTGCTGATGTTGCTGGGCTTGCTCCTGGAAGTGAACACTTACTGTCTT
TACCAATGAAAAGGTGGAGCCATTGATGACTCAGTAATACCAAGGTGACGGATGACCACATATACTTGGTT
GTGAATGCAGGCTGCAGAGACAAAGACTTAGCTCACATTGAGGAGCATATGAAAGCCTTCAAGGCCAAAGGG
GGAGATGTCTCATGGCATATCCATGATGAGAGATCTTCTAGCTCTGCAGGGCCCTTAGCTGCACCAGTTCT
TCAATACTTGACCAAAGATGATTTGAGCAAACCTTTACTTTGGTGAGTTCCGCATATTGGATATCAATGGAGCCC
GTTGCTTTCTCACCAGGACAGGGTACACAGGTGAAGATGGATTGAAATTTAGTGCCTTCAGAAGATGCACT
AGATCTTGCCAAAGCAATCCTGGAGAATCAGAAGGGAAGGTTGATTGACAGGACTTGGTGCT
```

>trans_s_1662 NM_123709|*Arabidopsis thaliana* ETFBETA; electron carrier (ETFBETA) mRNA, complete cds

```
CTCTACAGCCTGCGTGCCAATCTCGAACTACCCACCAAAGGCAACAACCATTTCTAGCAATACACAATACCAC
GATCAAGATGAAGATCATGGTCGCCATTAAGCGAGTCGTCGATTACGCCGTCAAAATCCGTGTTAAACCGGAC
AGAACGGGGGGTTGAGACCCAGAACGTCAAAATGTCGATGAACCCCTTTTTCGAGATTGCAATCGAGGAAGCT
CTGCGAATCAAGGAGGCTGGCTTGGCCTCTGAGGTTGTAGCAGTCAGCATGGGCCAGTTCAAGTGCCTCGAC
ACTCTCAGGACGGGCCTTGCGATGGGCGCTGACAGGGGCATTGATGTGGAAGCCACTGCACCCCTTTATCCTC
TATCTGTTGCTAAGATTTTGAAGGCCCTTGTTGAGGTTGAGAAGCCTGGCCTTCTTTTACTAGGGAAACAGGCT
ATTGATGATGATTGTAATCAAACGGGGCAGATGGTTGCAGGTCTTCTGAACTGGCCTCAAGGGACTTTTGCTT
CGAAGGTTGTGATAGACAAGGAGAAGCAGGAAGTGACAGTAGACAGAGAAGTGGATGGTGGTCTCGAGAC
TCTTTGTTTGACTTACCGGCCGTAATCACAACCTGATTGAGACTGAATCAACCGAGGTATGCTACGCTCCCGA
ACATAATGAAAGCGAAGTCAAAACCCATAAAGAAGTTCACTCCACAGAAATTAATGTGAATGTGAAGCCTG
ATTTAGAGGTCGTTGAAGTGACGGAACCTCCGAAAAGAAAAGCGGGTATCTTATTGTCATCTGTTGATGAACT
GATTGACAACTAAAAAATGAAGCCCATGTCATTTGATCATTTGATCTCTCCCCTTTTCTAATCCCATTTACGTA
TTCAGGAATGCAAATAAATACAGTATGAAAATCATAATTCAAGTTGAATAACATGATGTCTGTATCCCCTCATC
CCTTAGCCAATGAATTTCTTGTTCCCGATTCTAGATTGAAATTTTGTGCTTTTGCTACTAATTGC
```

>trans_s_1663 EU034700|*Rauvolfia verticillata* plastid 2C-methyl-D-erythritol 2,4-cyclodiphosphate synthase mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

```
TAACGCTGGCGCCAACAACAATACAATTCAACCACACAAAACCAAACAACCTCAGTCTCCTTTCCATGGCCGTC
TCCGCCCCATTCTTCGCTCTCCGCCCCTGCCACTACCTCCACCAATCCCCTTCTCTTTCTTTCTATCCTCCTTC
CTTTCCAGAAAGATTTTTACTCCTCTTCTCCTCTTCTTCTCTACCTTCTTCCGTGTCAATTCGCCGTTTCTC
ACTCTGTCTCCTCCACCACCGCCATCGAATCCGATTCTCCCTCTAAACCTTGCCGTTTCGGGTTGGACACGGCT
TCGATCTTCATCGGTTAGAACCTGGGTACCCTTTGATTATTGGGGGGATTAGTATCCCATGATAGAGGCTGC
GAAGCTCATTCCGATGGAGATGTTCTACTACACTGTGTGGTTGATGCAATTTTGGGTGCTTTGGGGCTTCCTGA
TATTGGACAGATCTTCCAGATTGAGATCCCAAATGGAAGGGTGCTCCATCATCCGTTTTATAAAGAAGCTG
TGAGACTGATGCACGAGGCAGGTTATGACATAGGCAACCTGGATGCCACATTGATACTTCAAAGACCAAAGC
```

TTAGCCCTCACAAGGAAGCTATCAGAGCAAACCTCTCTGAACTCCTGGGAGCCGACCCCTCTGTCGTGAATCT
GAAAGCGAAAACACACGAGAAGGTCGATAGTCTTGGCGAAAATAGAAGCATTGCTGCTCATACTGTGGTCCCT
GTTGATGAGGAGATAGAAGCCCTGTCCTCCCATAGTACTGCTGTGTAAGTGTAAATAACAACAGTGCTCTCCG
TTTTAATTGGAATATGCTTTATTGTTAAAATACTTTGAATTTTCCCCATCCCCTCCACAGTTCCTGCAAAGTG
AAACAATTGTAAGTTGGGTTGTTACATTAAACGTTTTAATCATTTAACAACGTTGAAAAGCAACAGTATGGTG
GGAGAATATTAGAAATTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1664 BT025703|Arabidopsis thaliana At4g18400 mRNA, complete cds

AGAGAGAGAAGAATGTGCAGTAGAAGAAGGAGAAAGAGAGATTCAAAGATAGCAGCTTTGGGTCATTTCTT
ATCCGGAAGTGGAAGAGGGGTATTTTGGGGACACTGATCACACTGCTGAAGCAAATAAATAGGTGAAGAA
ACGATGCCCTTTGCCATTGACAACCCAATTTACCTCTCTCTCCGACGCACTGTAACGACCAAGAACCCTAATTCC
AATTCCGGGAGACGACGACGAGGACTCTGTCTTTCTCATTTGGTCAATCCCAAATATGAGTCATAATACG
AAGACCCACTTTAGAGATTGAGCTTTTTTCATGTCCTCTAACATCTTTCTCTCGATTCCCTTTCTTTCTATTGAG
ACACATCCATGGCTGACGAATCGCAACAACCCCAATCTGAATCTCAACCTCCACTCGAAGTTGATTGACGCCT
CCGCCACCGCCTCCGCCTCCGCCTCGCTTTGATCCCAGTCGAATGATTGGTATCATTAGAAGGAAGGCATTGAT
AAAAGAATTAGCTGCTGCATATCACGCCGAGTGCTTGTATACTGCCAAGAGCTTCTTGAGCTCCAAAGAAAG
TGGGACGAGCCATATATTGAGTTAAAGCACCTGATGATCCAAGAAAAGAGACAATGAAGCCTAGCAAACGT
CAAAAGAAATCCCGCTAGGCAATAACTATATTGATGTTTCGCGTACCTGACTTGAGAATCCAATGGTTCTTCCG
AAGTAAGGGAGGCTCATGCACAAAATTGATAGTCTGTTATGAATAGGCTGATTACTCCATGGATACAAGTTGT
ATACTTAGTTATGAGCATATAAGATATTTGTATGCTGTATGTATCCATTTTCTGTTTCGCTAATATCACTATACAG
CAGAAGTTATTTCTATTTTGTGAGCAAAAACAGGCTTACAGAATTTATTTGTTACAATATTTGATTGTGTGGT
TCATGTTATTTTCTGGTGTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1665 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GGAAGGATCATTGTTTTTTTTCAATTTCTTTACCGCTCTCCGTCTTAGTAGAAAGACACAGTATTCGGGATAG
AAAGAAAACAATAATTGAAATAAATCTACGCTTCTTGAGGTGCAATTTGAAAATCAAAAAATTCCTTCTGTCTG
TGTATCCCCGATTAATGTAACCTTAGATGCTTTAATTGTGATTCTAGTATTAAGCGAAAGGTGTAACCTATGG
ATTAAGTCAACCCTACTCCACTAGTAAAAATATCACTAGTAAAAATAGGTAGCAGAGGGGAAGAAGCACTAC
ACCTAGGAATCAACAACACGAAAACCTTTGTTATAAATTATACCTTTTCTTATCGGGATCGGAACCTAGAAAAA
TGTTTGGGACAACAACATCCATCTCGTTTGTATTTTGGATACCTGTATAACCATCGAAGACTGTTGAAGTGAC
TAATTCCTGGAACGGATCTGGAGTTGAGGACAAAGAAATTGTTAGAGTTACCATTTTTATTTTATCTAGTAAA
CCATGCTTGATGTTATGAAAAGATCTTTACAGGAAGGTTGGCTAGAGATTTTTGTAAAAACGCTAGTCCCAT
GAGTTCATAATGAGAGTATTTCAATGTTTTTGTATTCATGTATTATTCTCATCTCATTATGCGCATCAGATAAA
GGGGGAGCCGTATGAGATGAAAATCTCACGTACGTTCTGGAACGGAGATTCTTCAATGGAATAACGAACG
ACCGTAACGGATGTCGGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCGGAAGCTCTACAGAATTATTATGAAGCTATGCGA
CTAGAAATCGATCCCTATGATCGAAGTTATATACTCTATAACATAGGTCTTATCCACACAAGGAACGGAGAAC
ATACAAAAGCTTTGGAATATTATTTTGGGCACTAGAACGAAACCGTTCTTACCACAAGCTTTTAATAATATG
GCTGTGATCTGTCATTACCGGGGAGAACAGGCCATTCGACAGGGAGATTCTGAAATT

>trans_s_1666 AF170087|Cucurbita pepo silverleaf whitefly-induced protein 3 (SLW3) mRNA,
complete cds

CCTATGGAGATTATCCACCTATAATGAGGGAACTTGTAAGGAGAGGTTACCCAAATTTACAAAGGCAGAAG
TTGCTCTAATCAAAGGCTCAATTGATTTTCTTGATTAAATTACTACACAGCTAATTATGCTAAAGACAATCCCA
ATGCACCTGGCCCTCAACCAAGTTACTTAACAGATTATAGAGCTGATCAATCAACTGATCGAAATGGAGTCTC

AATTGGTCCAAAGTTTAATGCAACATCTTGGCTCGCTGTTTATCCAAAAGGGTTTAAAGACCTATTGATCTACA
CAAAGACCAAGTACAAGAATCCAATTATCTATATCACAGAGAATGGATACCTTGATATTGAAGGTCCTCCGCTT
AAGGAAATGCTCATGGACAGACGTAGAGTGAAATACCATCATGATCATTTGATGGCTCTTAAAGAAGCAATTC
AGGCTGGTGTAAAGGGTGAAAGGATATTTTGCATAGTCATTCTTGGATAACTTTGAATGGGCAAGTGGATATGT
GATTCGTTTTGGCCTCACTTATATTGACTACAAAAACAATTTGAAGAGAATTCCAAAACCTCTCGCCAAGTGGT
TTGAAAATTTCTCAAAAATTGAACACATTGAGTTACATTGTCCCTCTTATTAATTTGTTCTTGATTGTATTTTC
ATGTGCTTTCAATTTCAATAAAGGTATGAAGGAGTTTGTTTTCTTTAGTTTGAAATGAAATTTTATGTTTATC
CAAATGGTAGTTGGACCGCCAAAAACGTCTAGCTACAAAATGAATAAAATAAAATAAACTTTACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAACCCCCCAACCCAGGG
GGGGGGCCCGACCCCAATTCCCCAAAAAGGGGTCAAATAACCCGCCCCCCCCGGGGCCCCCT

>trans_s_1667 NM_106155|Arabidopsis thaliana RPS9 (RIBOSOMAL PROTEIN S9); structural
constituent of ribosome (RPS9) mRNA, complete cds

ATACAGTGCAGTTACAATTCCTTCATTCTGGATAGACAATGGCTACTTCTATATCCTCTCTTGCAATTTCTCTTTC
TTCTCTCTCCTTTTCTTCCCAAGTCTCACACAAGCCAACTGCCCTCTCCTTTCCCCGTTCAAAGTCTCTTCTAATTT
CCCCCTTCTCTCTACTTCCCCACTTCTCGTATCTGCCTCCGCCGCTGCCGCTGTCGAGACCGCCGACCTTAAGA
GTTTCGTCAAATCCAGCCTCCCTGGTGGTTTTGCCGCTCAAACGCTTATTGGTACTGGTCGTGCAAATCTGCC
GTAGCTCGTGTGTCCTTCGAGAAGGCACTGGCAAAGTTATTATCAATTACCGCGACGCTAAGGAATATCTTC
AAGGAAATCCATTGTGGCTTCAATATGTGAAAGTTCCTTTAGTAACATTAGGATATGAAAGTAGCTACGATGT
ATTCGTGAAAGCGGAAGGAGGCGGGCTGTCTGGCCAGGCTCAGGCAATTTCCCTTGGCATTGCTCGTGCTCT
GCTAAAGGTGAGTGATGATCACAGATCACCTCTAAAGAAAGAGGGGCTTTTGACAAGAGACTCCAGAGTTGT
GGAGAGAAAGAAGGCTGGTCTCAAGAAAGCTCGTAAAGCCCCACAATTCTCCAAGCGTTGAGGTTCAATTTT
CCTCTTCAATTGTTTTACGTTCCCTCGTTTCTACTTTATTTGTACAACCCAGATGTTTTCTTCTACTTTTCTTCTC
TCTCTAATGTAGTGTGTTCCAACATTTCTCCATATTAATAAAAAAGTCAACCCAAAATTAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAATAACATGTCCTCGTTGGAATAGCCCTCGTGAACAAGCACAAAAGTAATAGAGAAATTGGAATA
CATTAAATTAACATCAAAAAATTTTAATATCCACAACCTTGAAATTTTCATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1668 XM_002874094|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal
domain-containing protein, mRNA

AAAGAGAGGATGCTTAAGGTTTCGTGGGAGAAGATTGGTGAGGATTACACTGCAGAGAAATTAAGAGAGAT
GTTTTCGAAGTTTGGTGAGGTTGAAGATGTTGTTATTAGGCATAACAAGAAGAAAAGTTCCGCGAGTAATTGTA
ATGTCGAGTAAAGATGCTGCAGTTGCCTCTACTAGGGCTGTGCTTGGTGATCTATCTAACCCCTTGCTAGTTTT
GCCTCTTCAACCGGTTTCTTCAGTTGAGATGCCAGTGCTGAGAGATCACCGGAACATAATCGATTGGATAATT
TGGTAGGAGCTGGTTACCAAGCATTTGAAGATTCCATTTTAAAGAAACTCCAAAAGGCTGGTGAGAAGCAAA
AACAATAAGTTAGCGCTACAAGGATCAGTTGTACGTGTAGCACCATATGAATTGAGAACACCCTTGTCATGGA
TGTTGAGACCTTTGAGAGGTACCTTCAGTTGTGGTTTATGCATGAGAATCATGGTCAAGATGAGAGCGATACC
AAGTAAAGTTTTCTCATTAAATAATCTGACTCTTGTTCAATAGCAATTCAATTGAATAAATCTTGACAGAAAG
AACTAACACTCAAGTTACGAGGATCGTTTATACTGCTGAAGTTTTGTTTGTAAAGTGTGTACTGTATCTTATCC
ATTACTCTATTGAAGGTCGTTTATAGGCTGAATGATTCATACAAGTCAAAGGTTTGAGTAGCTAGCTAGTTTT
ACTTCTGTAGAAGTAATCCTTAGTAGCATTGTATAATTTCTCATCTGTACTTGTATCATCGAACATTTCTAACTC
TTAACTCTGTTCCTTGGTTTCCCCTCTATTTATTTTACGGCATTGTTGAGTTGATAGCTACATGATATTGTTT

TCAATTGTTTTTGTCTCTGGGAATGTAAAAAGTTACAGCAAGTCAAATAGCAAGCACTACGTTAGCATTCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1669 Novel Gene

GAGGACGACATGATAGATGACGTAAGTCTGATGTTGAAGATAATGGACGCAGGGGCGAGGAAACAGCAAAACC
TGAAGCTGATGTTGCAAGTCCAAAAGCTGATGATACTGTGCAGTAGAAGCTGTAAGTACGTATTTGATCTCAT
GTAGTAGTCCTATGTGTTTGTATCTGTCCTTTGATTTGTCTTACTAGTTTTATTCTTCTTGCTTTCTTTTTTATTT
AAAAAACTATTGTTTGTATGTTTTTTTAAATCGTACCAATGGGCTAATGGGTTCCACACACTCTTTGATTCTGC
TTTTCAAAGCCTACATAGAATTGGTAGGATGCTTAGTCGCCAAGTTGTTCAAGCATGTCTTGTAATAATATC
TCTACCTTCAAGTCATGACATCAGAAACGTACTTGTGTTGCCATTACTTTTTCTATTGAATATTATAGGTCCTTTT
CTTGTCCTTGATTGATTGAATATTATAAACTAATCCTTGATTGTACGCTATAGACTGTTGAATTACCATGACAA
AGTTATAGTTTCTTTATCCACTTGAGGGGATTTTATTCACGTTTATGAATTAACAATATGCTGGTAGATGGT
AAATTAATAGTTGATAAATTGGTTGATGTTTTTGGATTTTGTGTTTGTTCAGGAAAAGAGTATGTCTTAATAA
AGTGAGATATGTAGATTAGGCACCCATTTGATCTTGATCCATCACTCTTGTGCGAACTAATAAGAAAAA
GTTGTACTATACATTTTTTAAATCAAAGCTTCTTTTATTAGAAACAGGATTAAGGTAGTGAGGAAGTTACAACA
CTCTTGATTCTTCAAGCAGAGTGATTTTTAAGGATGGAACTGTTGAATTCCATTGAAGTTATTAACCATTA
TTGCTTTGAGGTCTTTCTTATCTAAATTGCTTGCAAAGAAATTGTGATTGTATGTTGTAGTTATAATAGTGTA
TAGTTTTTGATGATATGGTATTTGATAAAATAGCTCTACTCTAATC

>trans_s_1670 AY530803|Populus balsamifera subsp. trichocarpa x Populus deltoides
peroxiredoxin Q (prxQ) mRNA, complete cds

AGAGGGATTTTGAGAGCATATTTTTCTCAAAAACCTCAAAATTTTACTCTCCAAAATGGCTTCTCTTGTTTCAT
CCAACGCTCTCTCTCACTCTTCTCTCCCATCTCTGACTCCAAAACCCATCTTCTAACAACCTTCTTTTCTTTC
CAGATCCTCTGCTTCCAGTTTCATGGAGCTCAAATTTCTCATCACATTCTCCCTTATCTCTTCTTCTTCTTCTT
CTTCTTGAAATTTACAATCTCCTTAAGGTGAATAAGGGCCAAACCCCTCCTCCATTCACTTTGAAAGATCAG
GATGGAAGGAATGTGAGTCTTCTAAATTTAAAGGGAGACCTGTGGTTGTCTATTTCTATCCTGCTGATGAAA
CTCCTGGTTGCACCAAAACAGGCCTGTGCTTTCAGAGATTCTTATGAGAAGTTCAAGAAAGCAGGAGCTGAGGT
TGTGGGCATAAGTGGGGATGATTCATCATCACACAAGGCTTTTGCTAAGAAATACCGACTACCATTCACATTG
TTAAGTGATGAGGGTAACAAAGTGAGAAAAGAATGGGGAGTTCTGCTGATCTTTTGGTACATTACCTGGA
AGACAACTTATGTTCTAGATAAGAATGGGGTGTGCAGCTCATATATAACAACCAATCCAACCTGAGAAGC
ATATCGGCGAGACGCTCAAATTAATTCTCAGAGCCTTTAAATCTCTCTTGTATAGCTGTGCATTCGTTGTAGAA
TTAGGAAGGTGTTGTTTGTGTTGATCATTTGAGAGGCAATTATCTAGGTCTGAGTAAGAGTGAAAATGATGAT
TGTTCTTTTATTGTTTTTTTTTTTTTGGTTACTACTCACAAGTGAGATCATGTATTTGAATCATAATGCGTTC
AGTGTAATGACTTTCTACTGTAATATGCTTTAGTTTTTTTACAATGTTCAATATTAACCTGTTTGTGTA
AAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1671 AY075661|Arabidopsis thaliana At2g32760/F24L7.10 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTCTTTTTTCTGTTAGAAAGACAAAGAAAGGAAGGAATTCCAATGGTTTCTTGAGGCTTTTTTACA
GTTGTTCCGAAGTGAAGACGATGACGCCGAGCCGTTGTAACCTCTTCAACTCGAACATCTCCTTTCTTTTC
GACTCCTTCATGGAAAACGACAAACCCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCAGACTCCACCAGATTATCGGATCCG
GAAAATGCCAAGGTTATTGAATGGGAGGACTTCGAACAAGAGCTTGCCAGGCTATGGAGTCTCTTTCGGCA
CTCCAGGAAGCGAAGCAACAAAAAGAATCTCTTAAGCAAAAGCTTGACTCCTTAATTGAGATTGATTCCCAGT
CAGTTAGTCGGTCAAATGAGCTTGCTGAGATGCGCGAGAACTTGAAGCGAGGAAATGTATTATGGAGAATA
TGGGGATGCGTTCTAACTTGTATCAGAGGATGTGAAGAAACAAGAGGAAAGTCTTAGCATTGAAGTCAGAT

CACTTTTGGTTGCTGGGACTGCTTTATCTAAAGCTAGGAAGCGATTGCAGGAGTCAAATAGATTACTTTCTGG
GGAAGAAGGCTATGATCGCCTTAAAAGCTTACAGAAGACGCTGAGAAGAAGACAGCAATTTATGATTTTACA
AGTTGCATTTCTCTATCCCGTAAAAATATCGACTGGACCTGCTAAGGATCAAGAGCTCGAATCATTTCCAGCA
CTAGTAGATTAGGGAATTCTTCTGGATCTAAACCTGTCAATCATGGATCTTTGACAATATTAGGTCTAAATTTG
AATGTGCTTCCATTTAAAAGATGAGCTTCTTCAGCGACAAGAAAGAGACTCAGAGGTCTGCATCTGCCTTGG
GATACGTAGCTCATGCTGTCTCCTTATATCTTCATATCTAAAAGTTCCTTACGCTACCCTTTACGCTTGGGTGG
TTCTCGTTCCTACCTTTGTGACCACTCTCCTTCAATATAACCCACGTCATCTGCTTCCTTA

>trans_s_1672 XM_002869872|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytidine/deoxycytidylate deaminase
family protein, mRNA

TGACTTTAGAACCATGCAATCACTATGGTAGAACTCCACCGTGACAGAGGCTCTAATAAAAGCCAAAGTGAA
GAGAGTGGTGGTCGGCATGGTGGATCCCAATCCAATTGTTGCTTCCAAAGGCGTGCAACGACTAAGAGATGC
AGGAATTGATGTGACTGTCAGCATAGAAGAAGATTCTGCAAAAAGCTTAATGAAGCATATATTCACCAAATC
TTGACTGGGAAGCCTCTTCTCACCTAAGGTACACCCTCTCTTTAAACGGTTGCTTCCTAGATCAGGTTGGGAA
AGGAGCTGCAGAAGCTGGTGGCTACTATTCTCAACTATTACAAGAGTACAATGCTGTTATAATTTCTCCTCCCT
CATCATCTGAGGAGTTCGAAATTCCTTCATCCAATGAACATGGAGCCAAGCAACCCCTTTGGATCATTCTATCG
AGTCCCGATGGTTCGATCCCTGTTCTCGCATTACCAACCCAACCTACCAAAGTAGTTATCTTAACAAACAAAGA
AGAAGTAGTAAGCGAGAGAGGGGATTGAAACGGTAGTTCTGGACCAATTAATATGAACAACATTTTGAATTA
CTGCCAGAGCCAAGGACTAAACAGTGTAATGTGGGATGTGAGAGCAAAGTTGGGAGTTCATGAAGAACTAAT
AAAGGAGGGAATTGAGGAGAAATTGTTGCAAAAAGTAGTTGTGGAAGTGTGCCACAATGGAGTGAGAGGCC
AGAGTGAATCTTGTTCAAGAGTATGGCTGAAAATTTGAAGTTGAAGTGTGAGGCCAAGGATGTGTGGAC
AGAGTGTGTATTGGAAGGCAATCTCTAGCATTGGACATCACAAATTTTCAATTAACACAAATGAAGGTAATA
CCTTTACCAATCTTTTTTTTTTTTTTCTAAATATAATTCACTGATTATGAGCTAACTAAATATGGTTAAGGCATTG
CTTTTCTCTAAATCTTACTTCTTCTATATTTGTGTTGTAATATGAAAATAAGTGTAACCT

>trans_s_1673 NM_113645|Arabidopsis thaliana PUX1 (PLANT UBX DOMAIN-CONTAINING
PROTEIN 1) (PUX1) mRNA, complete cds

AACTTCGCTTTCTTTCTTTGCTCAGGGTTTGTGAAGATTCTTACTCTCTAGCACTCAAGAGAAGGAGGTTTTCCC
ACACCACCAACTCCACGGCTGACCAATCATCTAAGGGCAACCTACTCGAGTTATTAGGCCAAGTTATTGAGCG
TGAAAGAAAAATATGGACGAGAGATCCGCGTATTTGAGACAATGCCACCGTCTTCATCAACAGAGGAATTACC
CAACGCTGGAGAAGAGCCAGATGGTTTTTATGAATTTACAGCGGAAGACTATTATCGAGTGTTAGCAACCAAA
AAGGATGATAAATATTTAAAAACACGAAAGTTGAGAGAGGCAGAAGAGGCAGCTCGTAGGTCAAAGATAAC
GAAGGTCAGTGTACGAGTTCGCTTTCTGATAACCACACTTTAGAGGCAACGTTTCATCCATCTGAAACAATGC
AGACCTTAGTTGATCTTCTTACCAAAGTAGTTGCTCAACCAGAACTGCCATTTTATATATATACCACACCTCCCA
AGAAACAGATAAAAGACTTGACGCAGGATTTTTATTCTGCTGGGTTTGTTCCTGGTGCAATCGTCTACTTTTCA
TACGATCTACCTGAAGGTGAATCAGTGGGTTCTGCTTACCTTAACGAAGATGTCATGTCTGTTAAAAGGTCT
TGAAATCGTGAGCGAAGAAGAGGAATCTACTTTGGCTGTTGCAGAGCCCGAAACAGCACCTCTCTCCTGCC
CCTACTCCTGTTGTCAAAGAAACCAAGCCTACTGATAAGAAAGCTATCAAACCCAAGTGGCTGAAAATGTAAA
GACTACTGCTCATATTTTGTAACTCTACTGCAAACCAGCTTTGATGGGGCACTGGTAGGGAAGCCAGTTCTA
GGCCTGAGTCAAGATGAGAGTGGACAGAGAAATACTTCAGAAATTGTGTTTGGTTGAAAGGAGTTGTAAGGT
GATAAAGTTGTAGAGTTGGTTTTTTTTCTTTCTTCTTGTCTGTTGTTGAACTTG

>trans_s_1674 DQ787027|Glycine max bZIP transcription factor bZIP100 (bZIP100) mRNA, partial
cds

TGTTGAGCAAATGACAGCAAAAGGCAGCGACTGAAAACTTGAATTTTTAATAAATTCAGTTTTTTTTTAAA
TGTTTTCAAGATTTGTCTTCATTTTTAATCAAACCCCTTTAACCTAATTTCCAATAACTGAGATTTGATTGAGAGA
GAATGTAAGTTCATGACCTAAAGTATTTAACTTTGCGTCAACTCCTTTCCATTTCCATTGCATTTTGAAGATC
TCTGTCTACCAATCAGAGCATTGTTGAAACTTGTGAAGTCAATGCCATGGAAAAATCCAAGGTGTTGTCAAAC
ATGAGAAATATGATTTCTCCGGAAAGCATGCTCTACTTCTCCTAAGAGTCCAGTTCCTAGTGGTTCCTCCAC
ATATTCCGAGTATCTCCCTAATCCCATTATTGGGTCAAGAGCAGTGCAGAATCCCAGAGTGGGAAATGTGAAC
CATCATAGAACATCATCTGAAAGTCTTTTGATGGAAGAACAACCTTCTTGGCTTGATGATCTCCTCAACGAACC
CGAAACCCCTGTTCAACGAGGTGGCCATCGACGTTCAAGTGACTCCTTTGCATACTTAGATGCAGGAAAT
GTTTCGAATGAAAAATTATACACAGGATGACTCCCAATGTAAAAATATGTATTTACCTTCTTGGGCATCACAAGA
TTTCGATTCCCATCAAGCTTCATTATATATGAAACCAAGCTGGAACAAACAGAAGAACAGGACACGGGAATTG
CCTCCAACATACATTGACAACTAACCCAGGTGGCCGCCCTTCTGCCAAAAATAGCATTCTTCTTGAAAGCTTGAG
GACGTTGAGTACAGCACAGGAAGCAAATGAGTTTTCTCAACAACACTACTGAAAAGCTGGATTGACCCGAAACT
GCTCTGCCTGATCGAAAGTTATCAGAGAGAATGGACAGTTCATATGTTAAGCCNAGACCGACTGATACAGATA
ATAAAAGAGCTAAACAGCAATTTGCTCAACGATCGCGTGTAAGGAACCTCAATAC

>trans_s_1675 FJ190669|Capsicum annuum cultivar Maor ANANTHA (AN) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAATAATTCACCTGAATAATTG
CATTTCAATCATAAGTTGTGGCTACATTGCACATATACAATTTACTAACCTTTTGATGAAAAAACTTCTCTTTTT
CATCAACCATGTGGAGTAGTCTTCCTTTTGATCTCCTTGCCAACATCTTCTCCTTCCTATCTCCAGATTCTTTGGC
AAGAGCTAGATCAGCTTGTAAGCATTGGCATGAGTGCATCGATACTTGCCCTTGAACACTGAGCCAATTCCA
TCGCAGTGTCTCCTTCATGGTTCATAGCCTTGCCATTGCGAGCACACAAGCTATGTTTTGCTCATAATCCAATT
CTTGACAATTGGCATAAGCTCTCACTTGAGTTCCTTCTGATTTAGTTAAACCAATTGCAACAGTTGGTAGTCTT
CTTTTTTAAGATCTATAAGTTCAGTTGTTCTACAATTGATCCTATGCAATCCATTCACTACCCAATTTCTGGTATC
TTCCATGGCCAAACATCATTAGAACTAATCCAGCTGTGGGAGTTGTGATACAAAACACAAGCCAAGACTCTCA
GATTCCAGACTTCAAGGTGTATGTAGCTGGGGGAATGTCCATGGCACCACAAGGTGGCACCACATATGAATC
AAAGTTGGAAATGTATGACTCGAGAAACGACTCATGGCAAATCGTAGGATCACTGCCAGTAGAATTTGCTGT
GAGGTTAACAGTCTGGACTCATAATGAGAGTGTGTACTCTAATGGGACTCTGTATTGGATAACCTCGGCAAGG
GCATTTAGTGTGATGGGCTTTGATGTTGACTCAAACAATTGCAGGGAATTGCAGGTGCCAATGGCTGATAGAC
TTGAATTTGCTGCACTCACATCTCGAAATGGAAGGCTAACAATAGTAGCGGCGTATGTGGTGAAGACGCCT
GTGTTTGGGAGTGTAGAGATGGAGATATGTGGGTGCTGGTTGAGAAG

>trans_s_1676 XM_002307870|Populus trichocarpa histone acetyltransferase complex component (HXA902), mRNA

ATGATAATGAGGCTGAGCAGCTGTTAGCGGAGATGGAATTTAAGGATGCTGATGGCGAGGATGAGCGAGAG
CTGAAAATGAGAGTTTTGCGTATATACTCTAAGAGGCTAGATGAGAGGAAACGGAGAAAAGATTTTATACTA
CAAAGAAATTTACTTTATCCAAGTTCCTTTGAAAAGGAATTATCAGCTGAAGAGAGGGCAATATGTCGTCAAT
ATGATGTCTTCATGCGTTTCCATTCAAAGGAAGAACACGAGGAATTGCTTCAAACAATTGTTGCAGAGCATCG
GACCCTGAAAAGAATTCACGACCTTAAGGAAGCCAGACTGGCTGGCTACCGCACACCGGCTGAGGCAGAGAT
CTTTCTTGATAAGAAGAGGAAAAGAGAATCTGAAGAAGCTGAACGTAGAGTGAAAGATGGTAATCTTACAGG
CCCTGGAAGTCAGGGGAATTCAATCATGTTTCATACCATCCGAATCCGCTGGCAAGGATTCAAATTCACGACCA
GCAGTGCAGGCTCTTCTGGCTCTGTCAACGACTTTGATATGTTGGGATTCAATGGCGCAGATTTCTTTCTGA
AGCTGAAAAAAGACTCTGCAGTGAAATTAGACTAACTCCACCACTTTACCTAAGGATGGAAGAAGTTTTATCA
GTGGAGATTTTCAACGGTAATGTCACCAAGAAATCTGATGCTCATCACTTATTCAAGATTGATCCAAGCAAAAT
TGACAGAATCTATGAGATGCTCATCAAAAAGGGGATTGCTCAGTCTTGACATTATTTGATTCTATCCTTCATTG

TTCCAATTTTCATTTTCTTTTGTAGTTCAATTATTTACCCCTTGATGCAATGGAAGGAAAGTTAGAATTTAGTC
ATCTCTTTGGAATGTAGGAGTAACTGACCAGTATTCATACTAGAATAGAATGCCATATTATTAAATTGTGTTAT
ATTATAGCTTTAAATCAAAGTCCTTTTGTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1677 NM_114826|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family
protein (AT3G49660) mRNA, complete cds

ACCAATGGATGATTAATCTTACAATAATCCTTCATTATCGCTAAGATATGAAAGATCCAAGTTTGTTTTGAAGA
AAAAACTGGGGTTTTGTATTTTCATATCCCCGCCAAATCTTAGCGCCGAGCTGTAAGAGAAAATCTCTCATCCC
GTTGGGCGGTCTGAAAATCGGAGTAATCTCTACTCCCTATCATCGGAGCCGGAGAATTTGAGTCTTCACTTCG
CCTTCATCTCCGGTTTTCCCCCGTTGGGTTCATATTAACACCTTGAATTGCGTTTTTCATTGACAGATTGAAG
AGATGTTATCGGAGCCATCTCAAACAGATTCATATAAACCTTACACTCTATCCCAAACCCTAACATCCCATAAG
CGGTGTATTTATCCGTCAAATTCTCTGCAGATGGCCGTCTTCTTGGCTCTTCTCCGCCGATAAAACCCCTTCGC
ACTTATTCTTGCTCAAATTCCACTGTGACCCCAGTTCAAGAATTCGAAGGTCATGAACAGGGTGTCTCTGACTT
GGCTTTCTCTCCGATTCTCGTTTTCTTGATCCGCCTCCGACGATAAGACTCTTCGCCTTTGGGATGTCTCCACT
GGATCTCTTGGAAGACGCTTAATGGCCATACTAACTATGTGTTCTGTGTTAACTTCAATCCCCAATCTAACATG
ATTGTATCTGGTTCCTTCGATGAGACTGTCCGCATTTGGGACGTCAAATCTGGCAAGTGCTTAAAGTCCTTCC
AGCTCACTCTGATCCTGTCACTGGCGTGGATTCAATCGCGATGGTTCGCTGATTGTTTCGAGTAGCTATGAAT
GGGTTGTGCAGGATTTGGGATGCGTCTACTGGTCATTGTGTGAAGACTTTGATTGATGATGAAAACCCACCCG
TTTCTTCGTCTAGTTCTCACCCAATGGGAAATTTATTCTTGTGGGACTTTAGATAATACGTTGAGATTATGGA
ACTTCTCTACTGGAAAATTTCTGAAGACTAATCCGGGCCATACCAAT

>trans_s_1678 BT020408|Arabidopsis thaliana At5g15330 mRNA, complete cds

AACAAACAATTTTATTATTCCATCTTTTTCATCTCCATCCATCCACATTCCATTCCTTCCCAAATTCATCTTTCC
CCATTGATTACCCCTCTGATTGCTCTAAATTCATTTGTTTCTCATTTCTTTATCTTCAATCCTTCGAGCTTCCGGC
TATGAAATTTGGGAAGGAGTTCAAGACCCATTTAGAACAAACCCTCCCTGAATGGAGGGGATAAATTTCTCTGT
CACAAGCCTCTCAAAAAGCTACTCAAACATTACCCTAATCTCCCTTCTACTCTTTATCCAATACCCACTAACCATT
CTCTTAATTTTCTTCTCCTCCCCTTCAACCCCCTCTGTTTCATTTGACGATCTCACCGAGGCTGCCCCCTGTGA
AACTGCTGCTGCTGCTGCTTCTTTGGCTGATCTTCAAGATTGGTTTGTAAGGATTCTCAATGAAGAATTGGAAA
AATTGAATGATTTTTATGTTGATAAAGAGGAAGAGTTTGTTATTCGGTTTCAGGAGCTAAAGGAAAGAATAGA
TCGTGTGAAGGAAAAGAGCAGCAGGGGAGGTGTTTTACATCAGAGAATGAATTCAGTGAAGAAATGATGA
ATATTCGTAAGGACTTTGTTGCCATTCATGGAGGAATGGTGCTTCTGAAAACTATAGCTCCCTAAATTTTGCA
GGCACAAGCAGTTTTACTGAATTATTTTCATATTTGCTCAAGGACTAATTAAAATTTTGAAGAAGTATGATAA
ACGTACGGGGCGAACTGTTGCGTCTTCTTACATGCAACTCGTAGTACGTCAACCTTTCTTACCACAGAAGTTCT
CACAAGCCTGGTTCATCAATGCGAGGCAAACCTTGAGCTACTCTTCCACTGGAAGCAGAAGTTATTGAATCA
ACACCAGCCTTACCAGTTGATCCGAACCCTCCCTCTACTGATAACTCCAAAAATACTACATCCAAGACACCTTC
GGACCTTGGGGAGGGAAGCGAGAATTTATATCGAAGCATTGTTGCT

>trans_s_1679 AY058059|Arabidopsis thaliana At2g37940/T8P21.15 mRNA, complete cds

GTTCAAAACTTGCCCACTGCCTCCCCCAAAAGTATCCTCGAAGTTTTCTTGATATTTCCAAGGGGTGTACTGT
ATGGTTGTGGAGACTTAATTTTCTCATCACACATGATCTTTACTCTTGTTTTCGTGCGTTCATATCAGATATATG
GTACTCAGAGGTTTATAAAGCAGTTGGGGTGGTTACTTGCTATAGTTCAGAGTTTCTTAATTGTAGCCTCACGC
AAACATTACACTGTTGATGTTGTAGTAGCATGGTATACAGTAAACCTTGTTGTATTCTTTGTTGATAAGAAATT
GCCAGAATTGCCTGATCGAACAAATGTCGCTGTATCTACACTATTACCGTTGAGTACAAAAGATAGAGATACC
AAACCAAAAAGATGAGAACCACAAGCTCATCAATGGAAACTCGGGGGATCCTGCAGATAGGAGGCTGAGAAC

TCAAGTAAATGGCAAGATTCTTGAAGAGGGAAATACAGTTCATATCAATGGCTCGATAAATGGTGCTACATAG
AGCAACAGTTTTTATAACCGAAGTCACTGTTTGAATAGAAGGGTCCCAGACAGGATATAATTAATGTGTTTTCT
TTTTTGGATTATTCAAGAACCATGAAAATGTAAATGTTGGATAATTGTCCAAATTACATTTCAAGTCCAATTTG
AATTGAAGGAATGGAAGTTTCTTTTCTTTAAAAGGAACAGTAATTAGAAGCTGGCAGTGAATAGTTTTGTGCA
AGTATTAGAAGCGTTAGAAGGAAGACTAAGAACCCATCCTCAATTTGTTTCTCGATAAGAGTATAACTTAACT
AGCACAAATTGGCATGACGTCCATCTTTAGAATTTGGCTGTTGAATCTTGTATCCTTGAAACTTGATTGTGTTG
TAATAAGAAAAGAAATTAGTATAAATCATTATCTTTTAACTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1680 XM_002875843|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata octicosapeptide/Phox/Bem1p
domain-containing protein, mRNA

AAAAGAAGCGATCTCTCCCTAACAATCTTCTTCTTCTCTCTTTGCTCTCTCTCTTTTCGTTCTGGAGACTTCT
TTTCGTGTACGATTCGATTTGCACCAACGGAATTTGGTTTTACTTGAACCTCACTTACAGTTAGATATGAGGTCT
GGTGCGCGTAACGGAAGTTCCGGAACCTTGAAGTTTCTCTGTAGTTATGGCGGCAAGATTCTTCCTCGTCAAA
CCGATGGTAAACTCCGTTACGTTGGTGGTCTTACCAGAGTTCTAGCTGTGAGCGCTCTGTTTCGTTTTCTGAA
TTAATGGTGAAGCTTGGAGAATTCTGTGGTTCTTCCGTTACATTGAAGTGTCAATTGCCGGGAGGTGATTTGG
AAACGTTGATTTCTGTTAGATCCGACGAAGATTTGGCTAATATCGTGGAGGAATACGATCGTGCTTCTTCCTCG
TTGTCTCATCCTCTTAAATCAGAGCCATTCTTTCGCCTCCAAAATCTCTCAAGCAAATTTCTCCTCCGTCAAGTG
TGGATTCTACTCTTCTAATTCTCCTTGCTACGGCGCTGATTCACCTCCGAGCTCACCGCAATACGGAAACAGC
GAGCGGATCTCTTCTCCTTCGTACAGATTCATCCGTCGGATTCTTCGCCTCCTAGTAAATACTTCGTCGGACCA
AGGAATTGCCACGGAAGAAGTGTGGCATGGGAGCCCTAGGTTTTGTACTCCGGCCCCAACTGCACCCACT
GGAAGTGAAGTTTAAAAAATCCCTAAACTCAAGGCGAGGACTCCGCATATAAAAAAGTACAAACCCTAGGTT
ATTAGACGATGACGACGAAAAAACAGAACAAATAGATTCAAGTTTGGCTTGTGATTAATTGATTGATTGTT
TGAATATAGCTTTTAAAAAATTTTGAATTAATTCATTTACATGTGTTCTTCAAAGAAATTGATTAATCCGGCT
GGAGTTTTGNCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1681 XM_002321150|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb2
(Lhcb2-1), mRNA

ATCTAAAACCCACCTTCAGCCCTCCTTTGGCATTGCATCAAACCTTCTTAGAAAGCTTCACATACTCATGGCCACC
TCTGCTATTCAACAGTCAGCCTTCGCCGGCCAGGCTGCCTTGAAGCAATCCAATGAGCTTGTTGAAAGGTGCG
GTGCTGTCGGTGGCAGCCGCTTCACCATGAGGCGGACAGTCAAGAGTGCTCCACAGAGCATTGTTGATGGAC
CTGATCGCCCCAAAGTACTTGGGACCATCTCTGAACAAACGCCATCTTACCTAACTGGAGAGTTCCCCGGTGAC
TATGGATGGGATACAGCCGGTCTGTGACGAGATCCCAGACTTTTGCAAAGAACCGTGAGCTTGAGGTGATC
CACTCCCGATGGGCCATGCTTGGTGCATTAGGTTGTGCTTCCCTGAACTCCTTGCAAAGAATGGCGTCAAGTT
CGGTGAATCAGTTTGGTTCAAGGCTGGTTCTCAGATCTTCTGAGGGTGGTCTAGACTACCTTGGCAACCCA
AACCTTATCCATGCTCAGAGTATCCTTGCAATCTGGGCTTGCCAGGTTGTGCTCATGGGCTTTGTTGAAGGTTA
CCGTGTTGGTGGCGGTCCCCTCGGTGAAGGACTAGACCAATTTACCCAGGAGGTGCCTTCGACCCACTCGGA
TTGGCAGATGACCCAGATGCATTTGCTGAGTTGAAGGTCAAGGAACCTAAGAATGGAAGGCTGGCAATGTTT
TCCATGTTGCGATTCTTTGTCCAGGCTATCGTCACCGGCAAGGGACCTATTGAGAATCTTTTGACCATGTTGC
AGATCCTGTTGCCAACAAATGCATGGGCTTATGCAACCAACTTTGTTCCCGGAAAATGAAGAAACCTGTAGGAA
ACAACAATCTGTTTTACCACACTTAAGCATCTCTGAAAATCATATGTTGATGTAATTTCTCAAGTAGAGACTCC
CTGAAATTAATCTGTATCATTAAAGTTCAAAATTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1682 NM_001123866|Arabidopsis thaliana CPuORF29 (Conserved peptide upstream open
reading frame 29) (CPuORF29) mRNA, complete cds

ATATTTTCGTTGTTTGTTCACAGCCCCAAACCAAACCCTAACCCCTAACTTTTCCTTCTTCTCAATTCCATTAAAA
TACCCCCACCAACCCTTCTTCTCTCATTGTTCCCCATTCTCAATTTTCAATTTTCAATTTTCTGTCATTGTTTTT
TTCTAAAAAGTTTGATCTTTATTCAATCACCCCCCGTTCTTTTCCCCTTCCCTCTCTTTGATTTTAGAGACCCCC
TGCAATTTGAGAACGACCCTTCTTCGGTCTTTTCTTTTACTCTGTGATCGTTTTTCTTTCATCCGCCGCAATAG
ATCGGAGAATTTTGAAGATTGTGAATGGTGAAGAAAATTCTAGTAGTAGTAATTACATGCGCTCCCTTTT
GGATTCAAGGGCGAGCGCTCGTCTTCTCTTCTGCTGCTTCTTCTTTCGCTTTTGGTTCTTGCAAGGAAGGCTG
GTACTACCGCTGCCTTGGAGTTGACCCTTGAGAGATTTACTTGTCTCTCCTCAACCCCATTAAGGAATTTTTT
ATTTTTGTTCTAAACAACCTTTTGCATTCTCTGTTTTGAATTTTTTTATCGCGCGCTAGCTTCGGTAAATT
TTGTCGAGGCTCTCGTCGATTGCTGATTCTCTGTTTGGGATATAATCTGAAGGAAAAAGAAAGAGAAGGGATT
GGGATTTTGGATTGATATTTAGTTTACGAAAATGTTACTGTATAAGCAGAAGAAGAATCAGAATGTTAAGG
GCAACAGGCTCTTGATCAGTATTAATGTCCTAGGCAGTGCTGGTCCGATTGATTATTGTTAACGAGGAGCA
ACTTGTTGCTGCTGTTATTGATACCGCTTGAAATCATATGCGCGTGAGGGCCGATTGCCGATTCTTGGGTCC
GATCTTAGAGATTTTCACTTTACTGCCCAAATACTGGACCAGATGCCTTGAGTCCATGGGACACAATTGGATC
GCACGGAGCTCGAATGAAGCGTAGGCAACATCTGGGAT

>trans_s_1683 NM_001062515 | Oryza sativa Japonica Group Os05g0506000 (Os05g0506000)
mRNA, complete cds

AAACTTGAAACTCCATTTTCATGTTGTTTATAAACTTCCTGCTGGTGATAGTCCCTATGTTTCGAGCTAAACACGT
CCAGCTCGTTCAGAAGGATCCAGAAGCAGCCATAGTTCTATTTTGAAGGCAATCAATGCAGGAGATAGGGT
AGATAGTGCTCTTAAAGACATGGCAGTTGTCATGAAACAGCAAGACAGAGCAGAAGAAGCCATTGAAGCTAT
AAATTCTTTCAGGGATCGCTGCTCCAAACAAGCTCAAGAGTCATTGGACAATGTTCTCATTGACTTGACAAGA
AATGTGGAAGAGTTGAAGAGCAGATAGATCTCTTGAAGCAGAACTTCGAATGATTAATCAAGGAGAAGCCT
TCAATGGAAAGGCCACAAAGACAGCTCGGTCTCACGGAAAGAAGTTTCAGGTCACCATTAGGCAAGAGACTT
CAAGGATACTGGTACGTACGGACATCCATCAATTCATTCTTTGCTATTTGAAGAAAAGAAAGCTTCCAAATTT
GGGTGAAAACCCAACTCTTTTACTTAATAACTATAAAAAACCAAACGAGAGCCTAAGATACCAAAAAGGTACT
CTTCCCTATGAAGGGATGGTGCCATCAATGAAAGGCATAGAGAAAGAGGTTAAACCAAAAGCACCATTGCAG
GGGAACCTTAGGATGGGCATATATGCAGCAAGAGAACCACAAAGCAGCAGAAGCTGTATATCAAAAGGCACA
AATCATAGATCCAGATGCTAACAAGGCTTGCACTTAAGCTTGTTGATGAAGCAATCTCGACATTGAGAA
GCAAGGGCGGTGCTCGAACAAGTGCTACATAACAAAGTTGGAGGATCCAACGACCAAAAATCAAGAAAACG
AGCTGAAGTATTAATGAAGGAATTGGAAGAAGCTGAATTGGCAACAAGTTGTTGATGATGGGTTTGAGTAG
TGGGGGAAGTGAAGATTATGATGGTGATGGATTATCAATCAGTCGGTGATGAACCAAGGTGCGCGTT

>trans_s_1684 NM_001054799 | Oryza sativa Japonica Group Os02g0772300 (Os02g0772300)
mRNA, complete cds

AACCTTGAACAAGCCCAAACATTTTCTACCAACGACGAATCACCATATTTGAATCCCCACTGAAATTGTAGCG
AAGCTTCTCCGGCGACTTGCAAGGCTGCAAAGCTTCAAAGTATCCGCCGTTTATCCGATGTCTTCTACGGCTAG
TTACATTCTTCTCTCATTTATCTATCACCGTATCTTTAAGAAGGAGTGCTTGAAGCCTACAATGGATTTGGA
GTTCTATTGGGAATCAGAAAGTGTCAGCAAGTGGCAATTAAATTCATCGAGATTATGCGATGAGACCATGG
GGTGGCTATTGGCAATTGTTGAAACAATCATATGGAGAATAAAGGTTTGCTTTCTCATAGTCGTTTTGAGAAC
AACGGTTCTGGTGATTCTAATAGAGACCAAAGTTTGAAGCGAAGAAAGATACTTGAGCAGAAAAAAGTCATG
GATCAACTTATTGATGTTGCTGGCGCTCAAAGGACCATCTTTCATCTTTCCATCCTTTCACTTCAACTGC
GGCGGTCTTCTTTATACCTGCAATCAGGCCATGGCAATAAACTTTCTATTCTGTAAAGAAATACGTTCAAAAT
CTCCTCAAGATCAATATGGCGGGGCCATATGGATCCCAGTGGCCAAGTGAAGAGAAGGTGAAGCACAGGGA
AATGGTTTCAACACACGCTCATTATATTTGTGCACGAGACTTCAAATGCTAATGCCAATGGGATGTCTTCAA

AATCAGATGCGGAGAAGACACCCACTACTCTAAATAAAAAAGGATCCCGTGGTTGCATTTGTACACTTTTGATT
ATATTAGAAGAGACGATTCCGGTGCTTTATGTATATGAACTGCAGATTGAGCCTCGTTTCCAAGGGAGGGGTT
TGGGGACTTTCTTAATGGAGTTAATTGAGCTTATTGCTTGCAAGAACTGCATGGGTGCGGTGGTTTTACTGTT
CAAAAAGCTAACTCTAAAGCTTTGAATTTCTACCAAAGCAAGCTGCGTTATACCAT

>trans_s_1685 AY136431|Arabidopsis thaliana expressed protein (At4g15545) mRNA, complete cds

TTTCTGCTCTCGAATCCGAATCCTCCGCTCTCCTTGCCCAAATTTCCGAGAAGGATGCTCTCATTGCAGAGCTGC
AATCCCATATCGAATCCCTCGATGCCGCCTTATCCCAGAAATCCGAAATTCTCACTCGCGCCGAGCAGGAAAA
GGAGACGTTGTTGCAAGAGAACGCTTCGCTTTCTAACACCGTGAAGAAGCTCACTCGAGATGTCTCCAAGTTG
GAGGTCTTCAGAAAGACGCTTATGCAGTCCCTAAACGAGGAAGAGAACTCCACAGTCACTGGAGGTTGAGAG
GCTTCAGTTAAAATAGAGAGCCAGGAAAGTTTGCCCTCTGCCTCGGCCGTTGAAGATGATCTGGCATTGCCAC
CATCTAAATACTCATCAATCCAGAGTAACACTTCTGAAACAGTGAATTCTGTAAAAGAAGAGCATGAGGCAGA
TGTGGCGACTTCAAGGCCTCGTATATCAAACAGCCTTCTGTTAGCATCACAGACTAGCACTCCTCGGCTGACGC
CTCCTGGTTCTCCTCCATTTCTTCTGCATCCGTGTCTCCACGAGAACATCTAAACCTGTTTCCCCTAAGCGTCA
TTCGATGTCATTCTCTGTCTCAAGGGGGATGTTTGATAGGACCTCGATGTATTCGTCTGCAGGAAATCACAGTT
CAGTTTCAAGTCTCATGGAGGAACTCATACTGGACGAACTCGAGTTGATGGGAAAGAGTTCTTCCGCCAAGT
GAGGAGCCGTTGTCTTATGAGCAGTTCAGTTCACTTCTTAACCAATGTTAAAGAGTTGAATGCCACAAGCAA
ACAAAAGAGGAGACTCTTCGGAAGGCTGACGAGATCTTTGGCCCAGAGAACAAGGACCTGTTTACTATATTT
GAAGGTTTGATTACTCGTAATGTACACTGAAAACGCCATGGATATAGTGTATGTAAGCACCAGTTTCGTACGC
TGTCGACTACTATTTTCATCTTTGTATCTATACATATATTCATTTTGACTTCAATGAA

>trans_s_1686 NM_121626|Arabidopsis thaliana HEAT repeat-containing protein (AT5G16210)
mRNA, complete cds

TATGTAGCTTTGCTTAGCTAACTTCACTATAATGTTAGACTTCTAGAGCACTAAAAGGTGTGGCTGATTTGAC
TCTTTTAACTCTCTTAGATAGTGGAGAAGATAAGGGTTCAAATGGATGCTTTTCTCGAAGACGGATCTCATGA
GGCTACTATAGCTGTGATCCGTGCATTGGTGGTGGCTGTACCTCTTACAACAGAAAGACTTAGAGATTATATC
CTTGCCGTCGTTCTAATTACTACGAGCATGTAAGACTGTTTTAGTTGACTAATAAGATGGCATATTACTTTAT
GGACATTATCGTATATATTCAGATCATGTAGTCTACTTGTTACTTTAACATGTTACATCTTCTATCCAAGATCTTT
CAACTCTCAGCCGACCACTACGTCAAGTGCATTGATGCGTCGCCATGAGAGAGCTGATGCATTTTGTGAGG
CGATCCGTGCTTTGGATGCTACAGACCTATCGCCAACCAGCATAACGAGAGTTGTTCTTCTACCATACAAAAC
CTTTAAGGGATTTAGATGCTCTGGATCCAGCACACAAGGAAGCTCTTGAAATCATAATGAAGGAGAGATCAG
GAGGAACATTTGAAACCATCAGTAAGGTGATGGGTGCACATCTCGGAATTGCGTCTCGGTTACCAATTTCTT
TGGTGTGATGGTGGGATATTGGGAAAGAAAGAAAGTCTGGAGCCAATTCCAAGCGAACCAGTTGAGCCACC
AAATCCGACACCGCCGCCACCAGCTGAGGACACTAGGTTTACAGACGAATCATGCGAGGAAGTTTACCGACAT
GCTCCGTGGCAAAGTAAAAAGTCAGGACGATTCTCAGAGTCTATGATATTGGAGACTTCTTGCAAGAGCATCC
ATTCTGGCATGTGTTATTCTTTCTTTCTCAGTATAGTCTAGCTAAAACCTGTTCTTTTTTTTTTGGTCTAATT
ACATAAAATGAGAATACCATGTCTAATAAGGTTACATTCTTTCATTAAATTATA

>trans_s_1687 AY338488|Medicago truncatula cyclin T1 mRNA, complete cds

AACTCAACGTGCAACATCCCTATGCTCCTCTTATGTCTGTTCTTAATAATATAGGTCTTTCACAGTCGATCTTGG
TGAATCTTGCACTGAACTTGATCAGAGAAGGGTAAGTTCATCACTTTATTTATTCCACCCGTCCATTTGATTAT
TAATGTTAAAAGGGAATTAACATGCAATACATTTGCACGTGCAAGATACAGATCATGCAATTTATTGCTTCTCT
GCAATTATTTTGTCTTGCAACTGCTTCAGGAATCTTTCTGGATTGTCTAGTCTATTTAGTAAGCATGCTGTAGC
CATTGTGAAAAGTAAGTCAATGATGTAACCTAAAAAATTAAATTTGGGATATATGGGTGCAAGAACCTCACTG

>trans_s_1688 XM_002864428|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2755, mRNA

>trans_s_1689 EU798687|Cucumis melo cultivar PI124112 calmodulin 7 gene, partial sequence

>trans_s_1690 NM_001068166|Oryza sativa Japonica Group Os08g0359500 (Os08g0359500)
mRNA, complete cds

AGGGAGATTATTTGTAGCTAGAAAGTACTAGAACCCCTCATTCGCTCTTCTTTTATCCCACAACATCATACCGCCCA
CTTGGCTTATCTTCTGACTTTAGGGTTTCTGTTTCTTCTCCCTAATACTTTCTCTAGGGTTTTTCACTTTTTCTTC
CCATCGTCTTTGTATAATCCGAAGCAATGAGTCGTCATCCTGAGGTGAAATGGGCTCAGAGACTGGACAAAGT
CTTCATCACTGTTCAACTCCCTGACTCAAAGGATTCTAAGGTCAATCTTGAACCAGATGGAGTATTCACTTTCTC
TGGTAGTGCTGGTTCGGAGAATCATCATTATGAACTGAAGTTGGAGCTTTTCGATAAAGTTAATGTTGAGGAA
AGTAAAGTTAACATTGGAGTTCGGAGCATATTCTGTATCCTAGAAAAGGCAGAGAAGGGATGGTGGAAAAA
GCTATTGCGTGGAGATGGAAAACCACCCCATTATGTCAAAGTAGATTGGGACAAATGGGTGGATGAGGATGA
AGATGATGGAAGTCTGCGCTAGGTGACTTGGATTGGGAGGCATGGACTTTTCGAAATTCGGCGGTATGGG
CGGCATGGGTGACATGGACATGGGAGACATGGGCGATATGGGAGATGATAATGACTCCGATGACAGTGATG
ATGATGAACAAGAGGTGTCAAAGCCAGAAAAAAGCGGCGATAAGGTGGAGTCTGCAAAGCCGGAGGGTGA
AATCAAAGGTGGAGTTGGGTCCTCAGAAGAGAAAAAGGAAGCTGCAGCTAGCACATGATTTTGCGGGGTTCA
TAAATAACCAAGCATTGATAATGTTTTCATAGTTGTGGCTTGAATTTTGAAGTCTTATGATGTGGCCTATTCA
TCACTGTGTAATTTCTCTGGAAGTCTATTTTTGAACTGCTTAAATCTTTGCAATCCAGGAAAAAATATTATTC
ACTAGTCTATACTAGATGATGCATTAGAAATGAGTGGAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1691 XM_002308889|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR930), mRNA

TTGAAGAGAAAATTCTTCAAAGAGCTAGTCAGAAAAACACTGTTGAGCAGCTGGTCGTGACCGGTGGCCATG
TTCAAGGAGACATCTTAGCTCCTGAGGATGTTGTATCCTTACTTCTGGATGATGCCAGTTGGAGCAAAAATA
AGAGAGATTCTTATTGTGGCAAAGGATAGACAAAAGAAAAACAAGCAAAGGGTATAAGAGTCGATGCTGA
GGGCGATGCGTCATTGGAGGATTTAACGAACCCGAAACCCGGGTACTGAATACGATCCATCTCCTGATCCA
GAAAAGACTAAAGCTAACAGTAAAAAGAGAAAAAGGTGGTTCTGAAAAGCAAAATTCATCAAAAGCTCGAAGT
TTACAAAAGATAAACGAAATGAACCCAGTGGTCGACTTTGACTTGGACGACTCCCGGCAAAATCTTGAACCTC
AAACTCAGAAACCAAAGAGACAAAAGCGACCAACCAAGAGTGTAATGAAAACCTTGACCAACAACCTACCT
CCTCAAACGTGGGAATTTTAGAACAGACTCAATATCCACACTAGCATCAGTCGCAAGCTGGATTCAGTGCTGG
CATATATGTTGCCATCCTACAAAGCAACTGAACTTCGGTTGCGGAATTTGATCAGATTGATTGATGTCGTAACA
TGACACCGAAGAGAAGATGGTAGAACTCACTCGTCATCCTTGTGACATGGTCGGTTCTCTAATTTGGGATGGT
GTTGTTTTGTTTTAAGATAGCCAGTGAAGGAGCTCAGCGAAGCAAATGGGAGAAGCTTTGGGAGAGCTTGT
GTATATATTATTCAATATGAAGCTTGGGGCCATCACTTACCATTTCAGGTAACCTAAATTTTCTGTATTGTTAT
TTTTCTTTCTTTTGGCGGGGAAATCCTTTGTAATTATATTGATTTGTATATATTTTCGGCTTCTTGAGAAGA
AGCTATGTTCTTTTGTATATTACTAAATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1692 NM_127571|Arabidopsis thaliana LCV1 (LIKE COV 1) (LCV1) mRNA, complete cds

TATCTTTGGTCTTGGAATTTGTAACCTTCCATTACATTCATCTTCTGGTTGGTGTGTTTATGTCATCTTGGTTGGG
AGCATCTGTTCTGGGCCTTGGGGAGTGGTTTATCAAGAGGATGCCATTTGTGCGTCATATCTACAATGCTTCTA
AGCAAAATTAGTTCTGCAATATCGTCAGACCAAACTCACAGGCCTTCAAGGAAGTAGCTATCATAAGACATCC
TCGTATTGGTGAATATGCATTTGGTTTCATCACTTCGTCTGTAGTTCTCCAGGTAACTGAAAGCAAACAAAT
CCGATATTTTCTTTGAAAAATATCAATTTATTCTTCTAAACGTTGCAGGTTAAATCAATTAGAATCTTAACTTT
CCTTAGTGAACCAATTTAAACCGTCGTTCTGAAAACCTATTACACACTTGTTCAGATTTCAACCTTTCTCTAAT
TTTCTGTTAATCCTCAGCATTTAAAAATGTTTTTACATGGTGAAAAATTATGTATTCACAGTTCTAAAGCAGAC
CCCTAGTGAAGGTCTAAATTGATTGTGTGAAAAATTTATTGATACAATTATTTGCTTGAATTTTAAATTGATTA
AATCTACAAAAATTTGTGGTGGTGAGGGGGAGTGTTATTGAGCAATAGTGCTCAGCTCAGACTTCGGAAAAT
GCATTTGCTTTCTCCTCTCACCTAAGTAACTTGATTGTCTGACCCTTCTTTTTTGAGGCAGAGCTATTCTGGGG
AGGAGGAGCTATGCTGTGTCTATGTTCCAACGAACCATCTCTATATTGGAGACGTTTTCTTGGTTCATACCAA

GATGTTATTAGACCAAATTTATCAGTTCGAGAAGGAATTGGTGAGGCTTCATTTCACTTTTTCTTGCTTGCTT
GTTGCATAAATTTCCCTATATTAGAAATGCTACTAATGTCAAGTCCAATATAACTGAACTGAACTATCACTTCCG
AGGCTTTGTAAAGTTGGTATTCAATTCTCAATTACATTATA

>trans_s_1693 HM640007|Medicago truncatula somatic embryogenesis receptor kinase-like
protein 3 (SERKL3) mRNA, complete cds

ATTTTGGCTTAGCAAAGTTGGTTGATGTTAGGAAGACTAATGTCACTACTCAAATTCGAGGGACAATGGGTCA
CATAGCACCGGAGTACTTGTCTACTGGAAAGTCATCCGAAAGGACTGATGTTTTTGGTTATGGTATCATGCTTT
TAGAATTTGTTACAGGACAACGTGCAATTGACTTCTCACGCTTAGAAGAAGAGGATGACGTTTTACTACTCGA
CCATGTTAAGAACTAGAAAGGGAAAAACGACTTGATGCCATTGTCGATCGTAATCTAAATAACTACAACATT
CAAGAGGTAGAGATGATGATTCAAGTGGCATTGCTGTACACACAGCCATGCTCGGATGACCGTCCAGCAATG
TCACAAGTCGTTCCGGATGCTCGAAGGAGAGGGATTAGCCGAGAGGTGGGAAGAATGGCAGCATTGGAGGT
GACTCGCAGACAAGAATACGAAAGACTGCAGAGAAGATTTGAATGGGGAGAAGATTCAATACATAGACAGG
ATGCAATCCAATTATCTGGTGAAGATGAGGCACCAAATTTACCTCAAATCTCCCCACCTTTTCATCTCTCTT
AGCTATGAAGCCATATGGAGATGGCAGTTATTGTAGTTAGGTCAGTTTTATTGGTGCCGAATGTTCAGAAAGC
CTTACCTTTTCATCTCCAGTTTGTAATTTCCATTGGCTTTTGCTTTCTTTCTTGGCTATGCATCTTTTGTAAT
CCTGTATCCCCCAATTTAGCATTTGTTGTGGCTGAACCTTTGAATACAGCCAATTCTACAAAGTCATCATATTC
ATATTTGGCTTAACATTTGTCATGTTATAGTATTCATTTTTCCCTCTTTTTGGATTTTAAATATATGTTTTACTTC
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTAACCATACCCGCC
AACCCCAGGGGGGGCCCCGGGACCCATTCCCCCAAAAGGGGGGCCTAATACCCC

>trans_s_1694 AY142052|Arabidopsis thaliana At5g62460/K19B1_7 mRNA, complete cds

AAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAATGAAAGAAGAGAGAAGACCGAGTCCGAGACACAGACAAACTCAAAGA
TCCCCTTCGTTACAAAGGCTTGGAACAAGCGGATAGTGTACCGATACACAGTTTTCTTTTTTTTGTTTTTGG
AGGGAGAGAGCTAAGACTTTCTTTTTCAACCTCTCTGATTTGAAGCTGAGGGTTTTGAGAATTGAGGGAAA
CTGAACACAAGAGATACGTTTGAAGGAGCTTTGTTTTGTACAAGAATGGGTGATCACATGGTTTTGTGCGT
GGACCGCCTCATTACGCCTGAAAGTTTACAGTCGCTGCAGGGAAGTACTGCTCCAGGATCTTCTTAGAATCTT
CATCTTCTCAAATTCGGAGCCACCTGTTGTGCTATTGCTGTTGAAGATGTGGATGAACATGATGGATCTGAA
GAAGATCCCCTTATTACAGACAGTTGAATGTGAATATGTCAGGAAGAGGACAGTATTAAGAATTTGGAGGTTT
CTTGCTGCTGCAAGTGGCAGCTGAAGTATGCTCATAGGAAATGTGTCCAGCGATGGTGCAATGAGAAGGGAG
ATATAACTTGTGAAATCTGTCATCAGAAATATCAGCCTGGTTATACCTTGCCCGTACCACCCCTCGATCGGAA
GATGCCACCATTGATGTGAGTGAAGTTGGGCAGTCTCTGAACTGCTTAGATTGAATGATCCACGACTTT
TGGCTATGGCAGCAGCAGAACGCCACTTTCTTGAGGCAGAATACGATGAATACGCCGATGCTAGTGCGAATG
GAACGGCATTGTCGATCTGCTGCTGATTTTGTGGCTCTTTACTGTTGAGGCACGCACTATACCTTACAA
ATGGTGATGGAGAAGATGATGCTTACACGTTCTTCTCGCTTTTATTGCTGCGAGCTGCTGGGTTTCTTCTCCCT
GCTACATAATGGCGTGGGCCATCAGCATACTACAGCGTCGAAAACAAAGACAGGAAG

>trans_s_1695 AY103864|Zea mays PCO154745 mRNA sequence

AATCCAAACATTTTATCCGACTTTTGGTATTAAGTTTGGCTTCTGATCCATGTGTCAATAATGAAAAGTTGAT
TACTCCTCTCTCCCATTTTTGTATTTGTTCTTTCTTTGTTGCCGAAGAAACCTTTCTTCTTTGTCATTCCAGAG
TTTTCCCCTTGTTTACTTCTGGGTTTTCTTCATTGAGCTGGGATTTTACGCCATTGCGATCCTGTCTTGCG
TTCTTTGAAATATTTGAGGTGTTGGAATTTGAAATGTCGTCTCCAAACAAGCGGAGAGATATGGATGTCATG
AAATTGATGATGAGTGATTACAAAGTGGAGATGATTGACGATGGGCTTAGCGAATTTAATGTTGAATTCAACG
GTCCAAAAGAAAGTGATACGAAGGCGGAGTTTGGAAAATCCACGTTGAACTTCTGATGCTTACCCATACAA

GTCCCCATCTATTGGGTTTGTGAACAAGATATATCATCCAAATGTTGATGAACTATCTGGTTCTGTCTGCCTGG
ATGTGATTAACCAAACCTTGAGTCCAATGTTTGACCTATTGAATGTTTTGAAGTTTTCTTCCACAGCTTTTGC
TCTATCCCAATCCTTCAGACCCCTTAATGGCGACGCAGCATCTCTAATGTTAAAAGACAGAAGCCAATACGAT
CAGAAAGTTAAAGAGTACTGCGAACGCTATGCGAAAAGGGAAAACGTGACGAATTCAGGTGCAGAAGATGA
GAGTGAAGAAGATGTAAGTGATGATGAAAGTGATTCAAGCGACAATGATATTGCTGGTCATGTTGATCTCTA
AAGGGCCTTACTAGATTCACTCTTTCATTGACACCAAAGAAAGATGAAACACATGAAATGATATGTTCCATCAC
ATGGCTTGTGTTGGAATGAATGGATATTACTGTTGTTTTGCCAACTTACAATTAGGCTGTAAAATAAAGAATG
GTTTTCATGTTTTGGGGGTAAAGTGAAGTACACTCCTATATATATGAT

>trans_s_1696 Z11510|P.sativum mRNA for plastid ribosomal protein CL15

ATTCAGTTCAGCTTATCCATGGCTGCCCTCTTTTCCTTATCTTCAACTTCCTTGACCAGAACGGCCACTGCTCTT
CCTTATCCAACCACTTCCTTCAAGGGAATGTTAGTATTCTCAACTCAAAACACCTCAGCATTCTTCAACCCAAA
CTCAAATTTAAGGCTGTAGATGGTAAACACTTGTTGTTGCAACCCAGGCTGCTGCTTCTTCCCTGTATGCCTC
CCCCGCCGACAATGTGCGGTTCCGTCTTGACAACCTCGGACCACAGCCGGGTTGAGGAAGAGGGGCAAGAG
AAAGGGGAGAGGTATATCGGCGGGACAGGGTGGTAGCTGTGGGTTTGAATGAGAGGACAAAAATCAAGG
TCTGGACCTGGTGTAAAGAAAGGATTGCAAGGTGGTCAAATGCCTCTTATCGGAGAATCCCCAACTTAGAG
GAATTGCAGGAGGTATGCATGCTGGGTACCTAAATACGTGCCAGTAAATCTGAAAGACATTGAAGAGGCAG
GATTTGAGGAAGGAGAAGAGGTCTCTTTGGAACTTTAAAAGAGAAGGGTTTGATCAACCCATCAGGAACAC
AAAGGAACTCCCATTAAGATTTTAGCGGATGGAGAGCTAAGTGTAAGCTAAATATCAAAGCTCGGGCCT
TTTCGGACTCAGCAAAAGAGAACTTGAAGCTGCTGGCAGCTCCTTAAGTGTATTACCTGGCCGAAAGAAGTG
GGTTAAGCCATCAGTGGCTAAGAACCTCGCACGTGCGGAGGAATACTTTGCAAGAAAAAGGCTGCGGCAGC
TGCTGCAGAACAGTCATCTGCTTGAATAATTGTAAAGTTGCAGGTGGTGACAAATTCCAGGTAAATCTCTTCC
TTAGTAAGTTTGGGCCTTAGCTAGTTTGTGGGCTTTAAGTCCAATTCCATGCTGTCTGATTGTATTATTGATCGA
TTTCTAAAGCAAAAATTTTCTCTGAAATATTCGTGCTCTTTTACTTTAAACTGCAAGAA

>trans_s_1697 NM_203248|Arabidopsis thaliana BON1 (BONZAI 1); calcium-dependent
phospholipid binding (BON1) mRNA, complete cds

GAACTCAAGGAATTTTGATGGCATAAACAAGTGCGCTCCATAATGTGTCTCTTGACAGGACCAACTCTTTTTGGG
CCTGTGATTAACAATGCTGCATTAATTGCCAGTCAGTCTCTTGCAAATGGTGTGCGGAAGTACTTTGTTTTGCT
AATAATCACTGATGGAGTGGTAACCGATCTCCAAGAACTAAAGATGCTCTTGTTAAGGCATCCGATCTGCCA
CTGTCCATTCTCATTGTTGGAGTGGGTGGAGCCGACTTTAAGAAATGGAGGTTTTAGATGCGGACAAGGGA
GAGAGACTTGAAAGTTCAACTGGACGTGTTGCTTCTCGAGATATAGTCCAGTTTGTCCATTTCTGGGATGTAC
AGGGGGTTTCTATGGTTCAAGCCCTGCTAGCAGAAATACCTCATCAATTTCTGACCTATGTTGCAAGCAGAGA
TGTTCAACCAATTCACGATCATCGTACCAACAGCCTGAGATATCAAATCACTTTTTGTGTTGCCATCGTTGT
TCCACTTTAGCTGGAAATATTGGGCAGTTGTGCGATGTTGCACTGAGCTTAAGGACTTTTGTATTATAGTCAGGT
GTTGCTAACAATGCAGTGGGTATATCCGTTCAATGGTTGGTGTCTTTTCCACGGGGACAAGTTTATTCAAGA
GCGAATATTGTTGGCTTTAATGTGCCAGGAACCTTTTTCTATTCTAGAGAAGATGACACCATATTATGGCTATC
TACTCTTTGATTGACAGAAAGGAATATCAGAGAGATTTCTTCTTTTCATATCTTGTTGTTGGATTTTATTTGTG
GATTTTGTGAATACAGTATTGAGCCTTTGGACTTGCATGAATTGCTAAGGTTTCAGAGAAAATTGAATCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1698 AY366397|Nicotiana tabacum ntp101 (pntp101) mRNA, complete cds

CAAAATAAAACTCCCACTGGGTGGAGAAGCAAAGCTTAGCAAGCCAGATTCCGATATGATTGCCAACCACAC
GGAGGACCAATCGTCCATCGTGGGATCAGACTGCTGATGGAGATGTATCCTATGTCGTGTATAGTCATTGGCA
GAGGAGAAAGAAAATGTGGAATATTCACCACGGGGGATGAAGTGGTGGAAGAAAGGAATGGTTTATATAGC
GGTAAGGTTTTATCGATAGGTATTGTATGCAGGGGTTGGCTGCTCTTTGACCGCCAATGGAGTGAAATCCGG
AACGAGGTGTTGTTATATTTCACTTGGAAGTACTGCAGATTTCGAGGACGAGAAGCTAGCTGCAGGCTGCTA
CATATGGGGGGGGGGGGAGTGGAAGTGGTGAAGGCTTTCTGAGCTCATGAATAGAGTGAGGAATGAATATG
TTAATGGAATTGTTTGGACTTGGAATGAAAATGTGGGTAGCAGAAAATACTGTTCTGTGTTTTAAGACGA
AACAAATATTTCTACGTAATAATGTTTGGTTCGGTTCATTTTCGGGGCCTTTCCCTGTCTCCTGAATATCAAACC
ATGTGAGTCAGCTTCAGTTGCATTTTTGTACATAAGAAATATGATGCTGTCTTTTTCCACCAACTTGATTGCAG
GGGTCTCATTTTGTGTTGGGTTGTCAATGTCCATGGGGGAGGAAGAAGCTCAAAACACCTTCATCTTTCAA
TGTAATGTAATATTTATGATTATGTATCGATTTGGATTTGGAGATACTGCTGCGGCTTTCTCATTCTGGTCAA
TGGGTGTAAGTGTAGGATTTTACGCTCTTTTGAATAATGTGGGTGAATGTTGACTGGATGTTTTGAATT
TTAATGCAATGTGTAATAGACGTATATTAGACTGGTGAATTTGAACTGATTTTGATGGCTTGCTTCTGTAAT
CATTGTAAATAGCAGTGCTCAGATTTTCTAGTTTCAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1699 NM_001058344|Oryza sativa Japonica Group Os03g0833600 (Os03g0833600)
mRNA, complete cds

CTTCGGAGATGGCTCTTCAGTCGGCGTTGGATTACGCTTGTGGCACTGGAGGGGCTGACTGTTCTCAAATCCA
GCAAGGTGGAAGCTGTTACAACCCAAATACACTTGAAAACCACGCATCTTTGCATTCAATAGCTATTTCCAGA
AGAATCCTTCTTCTACAAGCTGTGACTTTGGAGGATCTGCCATGGTTACCAACTCCAATCCAAGCACTGGCTCT
TGCAATTTACCCATCATCATCTTCTCTGCGACGCCGGCATCCATGACGCCGTCGGTTCCAACACAGACACCGAC
AACACAGCGCCGATCACAGTCTCACCAACTACAGTTACAAATCCAACAACTTCTTCACCCGTGGGGTCCGGC
ATGCCAGAAAATGGAAGTCCTCCTGGTGCATTTAACACAGACAATCCAGCTTCGAGCATAGGCAGCACAACAG
GGTTTGGAAGTGAATCCCTCCAAGCTCAAGCACTTCAATATCCATAGCGGCTGGATTGAGACCCTTTACTTGC
TTCATCATTCTCACCATGTCCTTCATCACTCACAGAATAATCACTCTGGACTGATGATGAAATGAAATCACCGAC
TTCTCCTTCTACTGTACATGAAAAGGCCCTCGTTATTCATAGCTTCAGAATCGTCACCCAGCTCCACCATTAGTG
CAATTTTTGGAGGAGAAAAGGAACCAAGAGGTGAGTTAGAGTTTGAAGGATAAACCACTGCCACTGCCCTG
CTTGAGCTTTTGTGTTGTGTAAGATCAAAGATAGGGATGTATTAGTATTAGCTACTTCCAAGTGAAGTCTGT
AATATAATATAATGTTTGTGTAATTTGGGACTTGTCTTGCTGTTGATCATTGTGCATTAAGATTAATTTTAG
TTAGAAGAAACAGAGACACATAACTCGACTTGGAAGTATTTCTGTTTCTATGTTTAAAGTCTTGAATGTTTTTAT
GGGTTAATGATTAATTTATTGTTTATTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1700 FJ870997|Gossypium hirsutum ATP synthase delta subunit 1 mRNA, complete cds

AATGGTTTTCGGCAAATCCTCCATTTTCTCAGCTTCCAAACAGCTCCAGGGGAACCTTCCACTTTCTCCTTCTC
TTCTTCATCTCTCTCCGACCTTGCAGAGCCGAGCGACCACCCTTCTCTCTCCGACCATGTTCCGACGAGCGTCC
ACCTTTTGGCCCGTCTTTTCTCTCTGCAAGGACCAGATCCTTCTCCAGCGATCTGCCGGCGGCTGGTTCCACC
GAAGATGCCTTTGTCTCCGCCTGGAAGAAGGTCATCCCCAATATTGATCCTCCTAAACTCCTCTCTCTTCATG
GCTCCTCGTCTGCTACGCCTTCTTCATCCCTTCTAAACTCACTGTCAACTTGGTCCTTCCCTATTCTCCGAAC
TCTCGGCTAAAGAGGTTGACATGGTTATAATTCCAGCAACAACCGGACAAATGGGTGTTCTCCCTGGTCACGT
ACCTACAATCGCAGAGTTGAAGCCAGGGGTTTTATCAGTACACGAAGGGAGCGATATCAAAAAGTACTTTGT
GAGCAGTGGTTTTGCATTCATCCATGGAAGTACATACGCTGACATTATCGCTGTTGAAGCTGTGCCTGTAGATC
AAATTGATGCTGCCAAGTACAGAAGGGTCTCGCCGAATTCACCCAAAAGTTGAACTCTGCCTCAACAGACTT
GGAGAAAGCCGAAGCCCAAATCGGAGTTGACGTACACAGTGCTCTGAATTCTGCTCTTACCGGATAGTCTCCC
TGGCTCGTAAATCGGCCACCTTTCGGGTTTTATCTATTTACCAATTGTATGTTTATAACACTGCCTCATTGACAT

TTTGAGGTGTCTTCTTTGGTGGAAATACCCTCTGGAACACATCATCATCTTGGGGCTTACCTTTCTTGTGCTGAA
TTTGAAGTGATTCACAAATAAATATATTAGGATGGTTTTTTGTGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1701 NM_001074041 | *Oryza sativa* Japonica Group Os11g0216300 (Os11g0216300)
mRNA, partial cds

TCCGGCATTAGAAGCAATTTGGCAAAATTCTGCCGGGAAAGGGTTATCTGATTTTAATTTCCGAAGTGCTACT
GGAAAGTTCAATCAGTTGGTCTATAATTATCCCATCCGAATACCTGAGAGGTTTTCTTGTATCCGATCTCTC
CTGACTCAAGAGGGAATTTGTTTTACTCTCAAGCCCACTTCAAATTTCTTGAGGTTGCATATCCATACGTTGCA
AAGCGCCTTTTGACAGATCCAAACCCTGCTTTACGTGAACGCCTCATTGAGTTTTATTCAAAGATGGAATGTT
TCAATGGAAGCGTCTTGAAAATCTTATAGTGCTTGCTAAAGAGAACGTTGTTAAGATGAGCAGTAACCCAGCA
TTGCAGAAGAAAGACCTGCAAGGTTCAAGACAAGTCGTGAATAAACTTGACCTCAAAGATACAATCAAAGAT
GGCGCTCGCCTATTTCTCATTGACGAAGGAATCCGCCGACAGCTGCTTCTTGCTTTGACTGAAGACTCACAGCT
TCACGTGCAAGAGCTTGTGACGTCTACAGATTACTGAAGATCAGATAGACATACCATCAATGGCCTTGAA
GTAGCCCGAGATTTTCCATCAGTTGTTGCGGACCTAATGTTGGCATGGACCGAATCCGTTCTATCAGACAGAT
AAAGTATATACATAGACCTGTTTAGAGACATATAGAAATACAATTTAGATTCATTTAGAAAGCGAGTACTGATC
ATGTTACATGTAGCTTTCTCCGTTTTACATTAATACTTTGAAAAAGAGCATTTGTAAATCAAAGGAAGGCAT
TATATCTTTATAGGCATATCACATGAATCGAAAACGTTTTGAGTAGAAAAAGTTGTATTTCTAGTTATGTATTA
TTGAGTTGATGTTTGTCTTGTACTCGACATATTTTTCAGGAGAAAAACAACAAAGAAAGATTAATGTTGT
AGTTATGACTTCGAGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1702 HQ129856 | *Silene latifolia* CSP41A-X protein mRNA, partial cds

AAGCCAACCTGATGAGCTCCCCATGTTGAAGGGGATCTTGTTAAAGCTGACGCTGGCCATGTTGGTGTGAGA
AATATATGGCGGAGGTTTTTCAGCAGCTGGGCTATCTTCCGTCCACAATACATGATTGGATCTGGCAACAACAA
AGATTGTGAAGAGTGTTCTTTGACAGAATTGTCCGGGACAGACCGATTCCAATTCCAGGCTCTGGTATGCAG
CTGACAAACATCGCACATGTCAGGGACTTGCTTCCATGTAACTAGCTGTAGAGAAGCCGGATGAAGCAC
ACTCTAACATATTCACTGCGTAACCGATCGAGCAGTGACTCTTGATGGAATGGCCAAGCTATGTGCTCAAGC
AGCAGGTTGTCCTGTTAACATAGTGCAATTATGATCCAAAAGCAGTTGGGGTTGATGCAAAGAAAGCTTTTCCT
TTCAGGAATATGCATTTCTATGCAGAACCAAGAGCAGCCAGGAGATTTTAGGGTGGAAAAGCACCACAAAT
CTTCCTGAAGATTTGAAGGAACGATTTGAAGAGTATGTGAAGATTGGTAGAGACAAGAAAGCTATTAAGTTT
GAATTAGATGATAAGATACTTGAGTCCTTAAAGTTCCAGTAGCTGCTTAACCTCCGGATAATTGTGCAAAAC
ATAGCACTCCAAATCTTACAGTACTTTTGTATATGTATTCTCATTTATTGTACTTCTATCAACTTACCAAAATAAA
ATGATTTTGTAGAGCTGAAGTTTGTCCCTCATTTCTATTTTTTGTATTTATAGAAGAAACCAAGAAAGTAGTA
TAGATTGCATATATTTCCAGGCTCTCTAGCTCTCTACCAACAAATGTGGATAATGTACCGGCAGTTCTAATTC
ATTTCTGGTAAAATATATCAAAGTAAACATTGCACTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGCAACCAAAAACCCACAAAAACATAAAAAACCAACAACCTACA

>trans_s_1703 NM_001055072 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0819700 (Os02g0819700)
mRNA, complete cds

AAAACCAATGCAAAAAGAAACTTAAAATTATGTGAAATATTTTATAATAAGAACATTTAGTTTAGGGTATTTA
ATGCGAAATTATAAATCATGTGGAACCTTGCTGAGGATCCCGCGTTACCTGCCGATGGAAATCTGTTCTCTTTA
ACTCGGAGCGTCGTTCCCGGTCTTAATGGCGGCGAGGCGATTTCTCTCTCGCTTTTCGTCATCGGTTACAG
ACCTCTCCTTCGCCGAAAGCGCTTCCCGAGTTCACCCATTTGCAAATTCATGGTTCTTGACTGGGTACAGATTT
TTGAGAAGAGAAACCCACACTGAGGCAAATCCAGCAATTGCTGAGGAATCTAAAGACAATGAAGACACTAAG

TTGAGGCCTATTTCCGAATTGGGTGATCCCCCTTCATGAAAACAAGGACGATACTTCTTCTGTGAAGTACTCTGT
TCTCTCCAATTTAAAACCATCCCCTAGGCATGACCTTGCCATGATATTCACCTGCAAAGTCTGCGAGACAAGAT
CAATCAAGACAGTTTGCCGCGAATCATATGAGAAGGGTGTGGTGGTGGCACGTTGCGGTGGATGCAGCAATT
TACACCTGATTGCCGACCATCTTGGTTGGTTTGGCGAGCCAGGCAGCGTGGAAGACTTCTGGCTGCTCGTGG
TGAGGAAGTTCGCAAAGGTTCCCTCGATTCACTAAGCTTGACTCTGAAGATTTGGCTGGAAAGACATCCTGA
AAATTTTGAACTTTATCTATCTTGAGAGGTGTACAAATAGTTACTTAACTCAGGTTTCGATTCGGATATTTGA
TGTTCCGATAAAAGATATTTGAGGTTTGTGTTTGGCGGTGAAATTTATAAGAAACAGCACCTGCTGGGAGAAG
TTTGGGGATTGGGGCTGCCTAACTGCTCCCTTTTAGAACGCAATCAAACAACCTCGGATGACCGTCACAATGG
GCTACAGATGACTGCAGATGTCTTTGAATATATGTATTATTCTATAAGCAAT

>trans_s_1704 NM_001073346|Oryza sativa Japonica Group Os12g0498800 (Os12g0498800)
mRNA, complete cds

AATTCGATTATTTTCTTTAATTTGGTTATTCTCACGAGCAACCATTGACAAGGGAACACCATTATTCAACACAC
CCAACAGTCGAATCATAAACAGATTGCTCTACTTCAAATCCGTTTCTTATTTGATTTTGTTTTCTCTCTGGATT
CTGAATTCTGTTCAACAATGGCGGGTTTAGCTATTGTTTTGGATCTATTACGGAAAAATTCGGCCACCAACACA
CCCCAAAGCCTCCACTCTTATGGGGCTTTCTCCGCTGCCGCCGCCGCTGCCGGAACCCCTTTTGCCTTCAGAGC
TTTCTTAGGTAATTACAGAATTCAGTTGCTCATTGTGATGCCGGTGTGATGTGACTGAGGACTACTTCTCAA
ATCTACAGAGTGCATCAAGGAAAATCTTTGAGCATGAGTCTCTTCGATACACTACAAAGGAGTACAACCTTGA
GTTAAAGCCATTATTCTCTGCTTTTCAATGGAGGATGCTTGGTATGACAACGTTAAGGTCGTTTTTGATGTTTTA
TTTGCCTCTTTTGGAGCCTCATGCCAAGTTGGAAGACGAAGACGATGAGGACTTTTTGAATGATAACCAAGAA
GAGCAGAAAGTCGATCTAGTTTCTCCCTTTAAAAGTCCATCAAGCAAATAGTTTCGTGAGACTACTGTTGTCAC
AACGAGACGCATTTTAGAAAGAATTTCTGTCCACTATGCTTCGCAGCGAATTGCATGGAAGCTTCTTAAAGAT
GTTCCCAAATCTGCCGTGCGCAAGGCTGGACGAGGACTGCCTACTTCAGTCTACTTCTCCGAGTTACCAGGA
CAACTTTCAGAGGACATGCTCTAGGAGTTGCCGCTTCATGGCTTGCCAAGTCGGTATTGAAATCTACAGATAC
GTTTCTGCAAAAGTAAAACCGAAAGAAGACGATGGAGTTGACGAAACTGACAAAGTTATAATTTTAAGGAAG
AAAGATGCAGGTGCTACTCTCCCGTGTAGTGACCACTTGTTTTTGCT

>trans_s_1705 NM_105749|Arabidopsis thaliana C2 domain-containing protein (AT1G70810)
mRNA, complete cds

CCCATTATTTACATCTCATTTTATCTTCTCCATCCACCTCTATTTTCCTCTACCATGGAACACTTCTTAGGTCTTCT
CCGAATTCGGGTGCTGCGCGGTGTTAATCTCGCCATTCGTGATACCCGCAGCAGCGATCCCTATGTCGTCGTC
ACCATGGGCAATCAGAAGTTGAAGACTCGCGTGGTGAAAAATAATTGCAATCCTGAATGGAATGATGAGTTG
ACTCTTTCAGTTGCAGATCTCAGGACTCCGATTGGTATATCAGTATATGACAAAGACACACTAACAGACCATGA
CAAAATGGGAGATGCTGAGATCGACATCGAACCATACATCGAATGTTTGAAGATGGGATTACAGAGCCTCCC
AGATGGTTGTGTGGTTAGGAGATTATATCCAAGCAGAACAACTATTTAGCTGATGAAAGCCAATGTGTTTGG
CACAATGGGAAAATTGTACAGAACATGATCTTGAGGTTGAAGAACGTAGAGTGTGGTGAGGTGGCAATTCAG
CTCGAATGGATCGACGTTTCTGGTGCTAAGGGTTTGCCAGTTGGAAGTACGAGTGACTTCTGATTCCTTAACT
GATGGCATCAGGTAATAGCAATAAATTTCCAGTTCCATAAAAGTTGTAGATTATGTGAAATGAAATAAAGAT
ATTTGACTTGTGAGTTTGTAGTGTGAATATAACTATGAATTGGGTGGAGAGGATGGGGGCTGGGTTTTCCCTT
ATTAAAGTGAACTGCTATATGTAATCATACATATGTTTATAAATATTACTATGGTTGTATGTTGGCAGTTATTT
CGAGAGGGGTAGAGAAAAATACATGTGAAGTGAAGTATTGTAGGGAATAGTTAAACATTATTGTGAATGT
CTACCATTTTTTCTTTAATTAGAGCGTTAATGAATTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1706 AB071370|Pisum sativum mRNA for PsAPY2, complete cds

AATTTCAATTGTATCACTATTTACGTTTCATTTCTTCTTCTATTGTGTTGCCACTCTGAAACCTCAATTCCTCAACTGT
TTTAGACTTCCAAATCCAAATCTCCATTGTTAAACACTTCCTTCAACCTTCAACCTTCAAACCCATTTCCATTTTT
CCCTTCTTCAATTCAAATCCACTTTAATCGCCACTTCCAACCAACCCCATTTTCATCGTTCTCACTGACGGATTCC
ACCCAGATCCGTCCTTCATGCTGTCTCCACCCCATCATTAGTCAATTCATTCCATAAATTTCCCGTCTTTCTTCCC
AATAGAAGAGCTGGATCCGACTCCCGAACCACCGCAGTCTCCTTGAAGGCTCCCCCTGCCTCCAATTCACCG
GAAACGGTCAGATCCGTTACCGATCTCCGTCTTCCGTGAGCTTCTTGAAGGCCAATCCGCTTCTCTTCCACTTC
AAGATCAACAGAAGCTACTTCAGTTGGAGTTTGACAAGATGCATAAGCGTTCCGGGAAGCCACAGTCCGAAT
CTTTTTCGAATAAGATCTATAGATTAGAGGGGTGTTATTGCTTATCTCTCTTTCTCTTTCTTAATCGCATTGT
TCTTTATCTCATGCCGGCCCGTGAGGATTACTCTTTCAACCACCGCAAAGTTTCCCCTGATCATAGGTCGTCTTC
TTCTTCCAAGACCTCTTTTGCTGTTATTTTTGATGCTGGTAGCTCTGGGAGTCGTGTCCATGTCTTTTGCTTTGAT
CATAATCTCGATCTCTCCCCGTTGGAAAGGATATCGAATTTTGAACAACTTAAACCAGGACTGAGTGCATA
TGCTGACAGCCCCAAGGATGCGGCAGTCTCTAATTTCCCTTTTGGACAAAGCTCAAGATGTTGTTCCAAAAG
GGCTGCGGCCAATGACTCCTGTTAGAGTTGGGGCAACTGCTGGCTTGAGGGCCTTGAAGGTGATGCATCTG
ATAGATTTTTGCAGGCGTTAGGGATCTCCTGAG

>trans_s_1707 BT006395|Arabidopsis thaliana At2g41000 gene, complete cds

ATGGCGGTTCCACGAGGTCCTTTTTGCCGGAATCCAAATTTCTTCTCTGAAGCCAGTGGTTCGATTCCATTCC
ATTCCATGGAAGCCCCTAGACTCCACCTTCTCGTGAAGAAGCAATCTCCATGCTTGTCAACTCCATTTCTCGAAC
CATTATCTTCTGCCGCTCCAATTGATCGGAGAGAATCGTCGGCCATGGATGTTCTGTGATCACTACAAGGTTCT
GGGCTTGACCAGAAGCGCCACCAAGGAAGAAATTAAGGACGCATTTAGGAAGCTGGCGAAGGAATTTACCC
TGATAAGCATTCTCAATCACCTAAGGTCGTTAGGGACTCTGCTACTCTGAGATTCAAGCAGGTTTCGGAAGCTT
ATGAGATCCTTGCGATGATTGTAAGCGTGCTGATTATAATATTCGTTCTCGTTGTGCTTCTGGCCCTTCTGTTA
ATCAACAGTATTACTCGTCGTATAATTCTTATGCTCGTGCGAGTGGACCTAGATATGGTTCTTCTTCTGGATTG
CCTCTCGCTCCCGTTTCAACGCCGATGGATTGGTTACGAATTTTCATATGCTGCTACGCTTCTCACCACGCGTG
CGTTTCTTCTCAATTTTGCTTTCGCTGGTGTGTTAGCTGGTGGCATGTTGGCGATTGACTCGAGTGGGGAGGCC
TTGTGGAAGATGCATAATTCTGGGAAATCATTTGAAGAAGCCATGGATTCAATCAACAAAGCCAAAACACATG
AAGATGCTTAAAGAGCTTACATTTGGATTCATTTGTCCGACCAAAAACCAGATTGTATTTTCATGTCTTCTTCC
TGTGGGGGTTGGCATTCCACACAAGTGAAAGTCAAAGTGAAGTGGACACTATAAAAAAGAAATTATAGAGCTGAT
TGAAATGTAAATATGCTATCCTTTTCTTACATCTCTTTATGTGAATGTAGATTGATTGATATTATATAAAATTTT
CTTAAGTGTCTTCTCATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1708 NM_114896|Arabidopsis thaliana ATCEN2 (CENTRIN2); calcium ion binding
(ATCEN2) mRNA, complete cds

AAAAAGAAAAAGAAAAGGAAAAGGAAAAGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGGAAAGAAGGCGGTCCAATGCG
AACACTAGTTGATTAAGTTAGACGTTTCAATGGGAACCAATTGTTCTAACATTCAAAGCTTTCGACGTTTGTGT
TAGACGTTTCGAGCTTCTCAGGATTTCTTTATCGTGCTGCGACATCGTCTACCATGGCAAGCTTATACAGAGGT
GTTTCCAGGAAGGAAAAGCCTAAAGGACGTCATGGCTTAAGTCCCAAGAAAGAGCAGGAGATTAAGGAGGCT
TTTGAATTATTTGACACTGATGGCTCTGGGACTATCGATGCCAAAGAACTTAATGTTGCAATGAGGGCTCTTG
GTTTTGAGATGACCGAGGAGCAAATCAGACAAATGATTGCAGATGTGGACAAAGATGGAAGTGGTGCCATTG
ATTATGATGAATTTGAATACATGATGACAGCAAAAATTGGAGAGAGAGACACTAAGGAGGAGCTTACGAAAG
CATTTGATATTATTGACTATGATAAAATGGGAAGATATCTGGCAACGACATCAAGCGCATAGCAAAGGAGCT
GGGCGAGGTCTTCACTGACAAAGACATTCAAGAGATGATTGATGAGGCAGATCGAGATCGTGATGGCGAAG
TAAACGTTGATGATTTCTTTAGAATGATGAGGAGGACAACATATGGATCCTAGAGGTGCAAGCAGAATGCGT
ATCATCCACGCAATGTATGACCATGGTAAGTAAAGTTGTGAAAATAAGAGACATGCCAAAGTATTATGTTTAG

GATGTTTTCATAGTGTAACCTATTTCTGTTTGTAAGATAATATTTTTTAAATTCAGAGAGTTCGAATATATAAT
TTTTATTACTAGTTTGAATTGTGTAATGCTAGTGATTGACGTAGTGACGAATTTATTGAGAAAAGCCATTGAA
ATAAGAGAGAGCTGGTAAATATGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1709 XM_002874967|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata IQ-domain 17 (IQD17), mRNA

ACAGGTTGCTCGCCTCACCACCAGCACCAGGCCTTCCAATCACGCCAGAGACTACTACGCTGCAATTCTCATTC
AGACTGCTTTTAGAGGATACCTGGCAAGGAGGGCTCTGCGTGCGCTCAAGGGGCTCGTAAAGTTGCAGGCTC
TGGTGAGAGGTCACAATGTCAGGAAACAAGCTAAGATGACCCTCCGATGCATGCAAGCTCTGGTTCGAGTGC
AGGCCCCGTGTGCTCGATCAGCGGATGCGACTCTCTCACGAGGGGTCTGGTAATTCCACACTCAGCGACCCTAG
TACCGCCCTCGGATCCCGTTACCTTCAATACTTGTCTGACAGGAAGGAGTTTGCAACGAAACGTGATAGAAAT
CTCTCCCAACAGATATGGCGGAGAGGTCGAAGTCCGTCCATGGGCAGCGGAGATGATCTGGAAGAAAGACC
CAAGTGGTTGGATCAATGGAATTCAAGGCAGGCATGGGAAAGCAGGGGAAGAGCTTCAACAGATCAAAGAG
ATCCAATCAAAACAGTGGAATCGACACCTTCCAGCCTTACACTCGTACATCCTCCAACCTCCGAAGAATGGCC
CAAAATCTACAAAGAACAACCCGCATTGGGCAGTTCCTCACTTAACCGGATGCAACAAACGTATACTCTTT
CCACCAGTCACCGGCCACACCCTCCCCATCTAAAACCAGGCCTATGCTGCAAGTCCGGTCTGCAAGCCCGCGTT
TCGTTAGAGAAGACAAAAGCAACAATACATCCCAACACCGAGCTTAAGGTCAAACCTATTACTACAGTGGGAA
TTTGGTCCAACAAGGGAGGAGTGGGGCGAGTAGCAGTTATGGTGGTGAAGGCAATTGTTGCCCAATTACAT
GGCGGCCACGGAGTCTGCAAAGGCACGATTGCGGTGCGAGAGCGCACCAAGGCAAAGGGCATCAACGCCGG
AGAGGGAGAGGGAGAAGGGAGGGAATTGGGTGTGCGAAGAAACGGCTGTCATTTCCAGTTGCGG

>trans_s_1710 NM_130248|Arabidopsis thaliana PSI-P (PHOTOSYSTEM I P SUBUNIT); DNA binding
(PSI-P) mRNA, complete cds

AACCAAAAAAAAAAAAAAGAAAAACATCTCCAAAAAGGGGAAGAAAGAAAGAAAAACACAAACACACAAAC
ACCTGTCTACAAAACAAAAGAAAAACCAACAACAAAATCTTCACTTTCTTCTCTTCTGAGAACTATCTT
TAATTAGCTGCTTGTGAATATTTTGAGTGTGAGACGGCAATCAATGGCTTCTTCTCTCTCCACATTTGCTCT
CTCTTCTCGGCCTCCACCCTCCTCGATTCTAAGGCCCTCGACAATCCGGTTCGCCGTATCGACCGTGCCGCT
CCCCACTCTCCCGTCGCCGCTACTCCATCGGCTCACATCCGCCCTTGGAAGTCCACTGCCTATTGTCGGAAGA
TTGCTCGCAATGTGATGGCGATGGCAACCGGAGAAGTCCCAGCTGAAGCGGCGGCGGGGGAGCTGGCGGA
GATGCCTGAAATTATCAAAAAGTTCAAGAAGCTTGGGATAAGGTTGAAGATAAGTATGCTGTGAGCTCACTT
GCTGTCTCCGGTTTCGTCGCCCTTTGGGCTCCGCTGGCGTCGTCTCCGCGATTGATAGGCTTCTCTAGTTCTT
GGCCTGCTTGAAGCTTGTGGGAATTGGCTACACCGGGTGGTTTGCATACAAGAATCTGATTTTCAGACCAGATA
GGGAAGCATTGTTGCAGAACTAAAGGAAACCTACAGTGAGATAATAGGGAGCAGCTAAAGAAGATTAATAT
TGATGTGTGTTCAAAGAGGGGGATTTAATTATTCTCTATGGCTAATAATTATAATTAAGAGTCTAAATTCTGGT
CTTCTTTTTTTTTTTTTAATTTCAAGCCAAAAAAAATAAAAAAAAAATAATAATAATGATCTTTATAATTAA
TTGCTGTTTTGCATTGCATTGCAAGTATATTTGCATGAAAAATTGTAAGTACTTCCTTTTACCCACCTTTTTGT
TATATTTCTTATGTAATTGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1711 HM466976|Nicotiana tabacum MYC2c transcription factor mRNA, complete cds

AGCTTCACTCCTTGGTGATGCTATCTCTTACATCAATGAACTTAGAGGGAAGCTTCAAACCTGCTGAATCAGATA
AGGAAGATCTACAGAAGCAATTGGATTCAAGTGAAGAAGATGATGATGTCCTCTTCTAGTAAAGATTCATGCGT
GTCAAGCTCGAATCAACCCCAACAGATCAAGACATAAAATCATCAAAACATAAACATAATGATATCGAACT
GATATCGACGTAAAGATCATCAGTTGGGATGCAATGATCCGAATCCAATCTAGTAAGAAAAACCATCCTGCTG
CACGGTCGATGGCAGCTCTGGAGGAACTCGACTTGGATATAAACACGCGAGCATCTCGTTGTCAATGATCT
CATGATCCAACAAGCAACCGTGAAGATGGGGAGTCGGTTATACACTCAAGAGCAGTTAAGGATAGCATTATC

GTCGAAAATAGGCGCAACTCGGTAGCCATTGTTATCTCCTTCACTATGATTTATTGTCTGAAGTAGCAGCATAG
CATTGGTTTTAGAAGAGCTCCAGTTGCCGATGCGTAGGGAGCCTAAGAAGGAATATGTGCCATATGCAAACG
GCATATAGCTGTGTAATACTGTTCTTCTCTACTTGTTCTTTAGATAGTGGTGTGTTTAGTATTTAAGTGATT
TGAGATGATTCACATGGAGGAGTTTGAAAGTTAGCAATGGCCATGGGAGAAGAAAGAAGAAGGTAGTGATG
GTGATGGTGTGGTGTGATGATGGCTTGGCTCCAATTCACGTGAATAGTTAAAAGAAGAACTTTCTTATTACTG
TATATATACAAAGCCATAAATGTGATCCTACTGCATTTGGTCAGTGAAAATATTTCTATCATATGTTGTAGCA
GTGTATGTTGTTCCCAATGTAAACTCTATCCAGAAATTTCTCAGGCTGGATTGAAGAACATAAGTGATTCAAA
TAGAAGAAACCCTCTGCTTAGTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1712 X85216|P.vulgaris mRNA for pectinesterase

GGGAGAATAAATGAAAACCTGTGGGTTTATCTTTGACTTTGACTTTGCCTTTCCCTTGCAAACCTGAAAGGGACG
AACTTCCTTTCTCCTTCTTCTCTAAATTTGAACGAAAACCGATCAACACAAAATCAATTTGCAAACAT
GGATCAAATCAATGCTCTCAAAGGCTATGGCAAACCTCACTCACCACAACCTCGACCTCGAACATCAAATCCCC
CGCCGCCCTCAAACCAAACCTCAAATTTCCCCAACCAACCACAATTATTCTCTCCCACTCCGCTTCGCCGCCGCA
TCTCCGCCCTCTCCTCACCCTCTAATCATCAGTCTGATCGTCGGAGTCTACACCCACAACCTCCACCCCCGACA
ACAAATCATCATCAATAATGCTGCCACACAATCAGCATCATCTGCAACGTAACCTCGTTACCCTAATTCCTGCT
TCACCTCAATCTCTTCTCTCAATTCCTCTCCTCAACCCGATCCCGAACTCATTTTAAACCTCTCTCTCAAGTTTCC
CTCAACGAACTCTCTAACATATCCCGATGGGTAAAAACCTAGGGGCAGAGGGCGACGGGGGAGCAGCAGC
AGCTTTGAAGGACTGCCAGAGCCAAATCGAAGACGCAATTAGCCAAGTCAATGAGTCGGTGGCAGAAATGAG
AGGCGGTTCCGGGGAGATGACGTTGACGGAGAGTAAGATCGGGAACATTCAGACGTGGATGAGCAGTGCGA
TGACGAATGAAGAAAGCTGTTTGGATGGAGTGGAGGAGATGGATTGACGTCGTTTGAAGAGGTGAAGAGG
AGGATGAAAAAGTCCATAGAAACGTAAGCAACAGCTCGGCCATTGTGGCTAACATCCACGTCAATCTTGACA
AATTTAATATGCCACTTCACTAAATTTCTTTTAAAAATGTAATCATCATCATCATCGTCACATCATCATCATC
AACATCATGTTCAAAACAAATACCTCTGTTTTGTTGTTTTTTTTT

>trans_s_1713 AY106753|Zea mays PC0083390 mRNA sequence

ACAGTCGCAATTCAAACCGTGACCAATCTCCTTCAGCTCAATTGATTTGGCACCTCCATGCTTCTCATAAATAT
GATGCCTGAATGAAATATAGTCAGACTGATTAGCAAAAGTAACCACACGTTTGGTATCTGGCTTCGGCACAGG
AAATAGATGCTTTAAGATATTGGCCGTCTTTACCCAACTTCGTGGTAAAATGTTTCAAATTATGTGCGGAT
AGGCCTCAGGCATCGTTCCTCATAGCCTTTTGTCCCTAATTTATGTCTTGTAAACCACATTCAGCAATCCAAAT
AGGCAGTTGGACCAATGGAAGATGGCTGATAATTAACCATCTGGCACACCACGATGTTTCACTGAACTAAAAT
AACATCTGTAAATTCATGAGCACGGCAGGTCTCTATGATCTCTGAGATCACCTGACCACCACGATTCATTCTTT
GTGCATTGGGGAAAACAATTTTGTGTTCTTTGCAAACCTGTGTCAAAGGTGCACTTGGATCCCGAGATGTAGT
TATCAAAATTTTAGGATCAACTTCTGAAGCATTTCATACTCATCATCAATGTGTGTCCTTGGGACTGCTGTGA
GTTTATCCTCAAGTTCAATTTCTTTACGAAGTGCTGCCTCCTCGTTTCGGAGTTCAGTAGGAAAAGGTTTTCCCT
CTTCTAAGGCTTCTCTAATCTTCCGCTTTTTCTCATATAGCAAACGCTCCTTGCTTCTAAACTCTTTCTGTACAA
ATACTCCCTCCTCAGCCGAATGTTTCTCGCAACATTGCTTTGAATTATTAGCCAAACCCCACTGAGAGTCTGA
ACAACGGCGCGGGTTACTGAGAAAAAGAGAACAAGATGAGTGGTTGTGATTGCTGGAGGAAGCGAGAGA
GTATGAGAGATAGTGACGGCGGAAGGCTGAGACAGTGGCAGCTGAGAACACAGCGTGCGGTAGCGGAGCA
GTGCTCAAGTGGCTGCTGGGGTATAGGGTTAGGGAAGAAGAAGGGCTTA

>trans_s_1714 AB457584|Prunus persica GPP mRNA for L-galactose-1-phosphate phosphatase,
complete cds

ATTGGTCTCTTACTTTACTATGAACTCCTTCAATAAATAATAATTCCTACGCGCATCACTACATCGTTTGCATATT
CATATTAGGCTAATGCTATGATCCAAAAACACACACCATTTTTTAACTCCCATTCTAATTTCTCCACGATAAAA
AACACAACAATGTCGGAAAATGATTCCCTCCAGGAATTCCTCGTCGCTGCTGTCGATGCCGCCAAGAAAGCCG
GTCAGTTGATACGGGAGAAATTTTACCAGACCAACATGTCGAACACAAAGGAGAGGTGGATTTGGTTACTG
AAACTGACAAAGCTTGTGAAGATCTTGTGTTAGTCATCTCAAGCAGTGTTCATCGCACAAAGTTCATTGGA
GAAGAACTAGTGCTGCTTATGGTACTATGGAGCTGACTGATGAGCCACATGGATTGTTGATCCCATTGATG
GAACTACGAACTTCGTTACGGATATCCTTTTGTGTTGTGTCTCAATTGGTTTAACTATTGGCAAAGTCCGACA
GTTGGTGTGTTATTTAATCCAATCATTGATGAGCTTTTTACCGGTATTCGTGGACAAGGTGCTTATCTTAATGG
GAAAGCCATTAAAGTATCCTCTCAAGATCAACTAATCAAATCTCTTCTGGCTAGTGAGACTGGAAGTTCACGTG
AAAAATCGACAATCGATGATATTACTGGCAGAATTAATAGGCTTCTTTAAGGTAAGATCTCTTAGGATAAAT
GGATCGTGTGCGTTAAGTCTCTGTGATGTTGCGTGTGGAAGAATCGATCTATTTTATATAAATTGCTATGGAG
GTCCATGGGACGCGGCTGCTGATGCTGCAATCTTAACGGAAGCTGGAGGATTAGTCTATGACCCATCTGGTA
GAGAATTTGAAATCACAGCTACGAGACTCGCTGCTTCTAATCCACTTCTCAAAGAGGCATTGTTGAAGCTTTG
GCACATCCTTGATGAGAATATGCCTGCATTGACAAACATAGGTACCAAT

>trans_s_1715 NM_124714|Arabidopsis thaliana CLPX; ATP binding / ATPase/ nucleoside-
triphosphatase/ nucleotide binding / protein binding (CLPX) mRNA, complete cds

AGGCTGCCAAAACCTTTTTCCCCGGTGAAAATATCCACATTGACACCAAAGATATTCTTTTCATTGCGGGGGT
GCCTTCATTGACTTGGAACAAAACAATCACACAAAGGCGGGAAGATTCTTCTTAGGGTTTGGGGCCCCGGCTC
GTGCAACATGAGGGCTGGCGGCGTTACAGACGCCATGGTTACCTCTTCTCTGTTGGAGACCGTTGAAAGTA
GTGATCTCATTGCATATGGGTTGATACCCGAGTTTGTTGGCCGATTCCCAATCCTGTCAGTTTGTGAGCCCTA
ACAGAAAACCAACTTGTTGAGGTCTTGACAGAGCCAAAAAATGCATTAGGAAAGCAGTATAGGAAGATGTTT
CAAATGAATGATGTCAAGCTTCACCTCACAGAAAATGCCCTGAGATTAATAGCAAGAAAGGCAATGTCAAAGA
ACACTGGAGCACGGGGTTTGCGATCAATATTGGAGAATCTATTGATGGATTCTATGTATGAGATTCTGATAT
TAGAACAGGTAAAGATATAATTGATGCTGTCGTTGTTGACGAAGAATCAGTTGGGTCAGACAGCCCCGGTTTT
GGCGCCAAAATTCTTTACGGAAAGGGTGCAATTGGATCGCTATCTTTCAGGACAAAAGGCAACAAGTCAGGAT
TCAGAAAGAGAGCCAGAACCTGAAGGCGAAACAGATCTTCCTTCTGTTGTTGCCAGCGGCATGTAACCAAGA
ATTTGTGGAAGTTTATGTGTTATACCTGTAATGTTGTACATATTACTAGTCTATATTTATTAATAATTCAAGTGG
AAAATTATTGTTATAAAGATTAAGTGTCTCTTAAAAAAAAGTGTCTTTGTTTTCAAAGTCTCCAATACA
TTGAAAGCCCACATCTTTTATTAGGCTTATAGGCAACAATGTATTTGTTTATGAATTATCTCCAACAGTTGTTT
TAATTCTTCTGGATTTTTTTATGCGAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1716 NM_120556|Arabidopsis thaliana ACT domain-containing protein (AT5G04740)
mRNA, complete cds

ATAGAAAGAACTCCGTTCTAACATACATAACCCCGTCTTCATCTCCACTATTACTTAAATCGAACAAAGTTGCT
GACGGAGACAGCGCCACCCATTCCGATCAATCAATCTTCTTCTCCATGGCTATGCCGACCTCGAGCTCCACC
TTCATCGCTTCTTCTTACACTTCTCCTTCCCCGTTTCCATGCCGCTAGGTTTCTGGAGCCGGAGTTCGCTGCTC
ATCTCCCTCACCGCTGCTTTGGCGGTGGTGCTAGGCTTACTTCTTGCAGAAATGGAACATCCTTAGTGATCA
ACCAATGGTTTGAATGCAGTCAGTCCAGCATCATTGATGTTTGATCAAGATAACGTGCCAATGCCCATAGTTCT
CATAGATCAAGATTCAGACTCCAATGCAACAATAGTGGAAGTCAGTTTTGGCGATCGTCTTGGTGCTCTTATTG
ATACGATGAGAGCATTAAAAGATTTGGGTTTGGATGTGGCGAAAGGAACTGTTAGCACAGAGGGACCCGTCA
AGCAAACAAAATTCTATCTGACAAGATTAGACTCAGGCCGCAAAGTAGAAGATCCTGATTTGTTGGAGAGTAT
TCGTTTAAACCATCATCAACAACCTTTTGAAGTATCACCCAGAATCTAGTCAACAGCTTGCAATGGGTGAGGCTT
TTGGAATTCAGCCTCCAGAGAAGAAGCTTGACGTTGATATTGCAACTCATGTTACGTGAAAGCTGATGGACC

TAAAAGGAGCCTACTTTGTTTAGAGACAGCAGACCGCCCTGGATTGCTGCTTGAAGTTATAAAAATACTTGCG
GATATCAATATCGATGTTGAATCAGCAGAGATAGATACAGAAGGGTTGGTCGCCAAGGACAAGTTTCATGTC
AGTTTATGGGGGAGCGGCACTGAATAGTTCCTTATCTCAGGTTTGTGGTAAATTGTCTACGTTACTACCTGCG
GAGGCCGGAGACAGACATAGATAGTTACTAAGATCTCAAAGGACCACATG

>trans_s_1717 AF197567|Nicotiana tabacum pollen specific LIM domain protein 1a mRNA,
complete cds

AGGTCTTTTCATTTTCGACTTCTTCTTCTTCACTCGAAAAACACCTCCCACGCTCTCTCTGCGCGCCGCTCAGCT
TGCCGGACCTCCCTCCCACTCTAGCGGTCATCTCTCTCGCCGGACGTCGAGTCCCAGCTGTGCACGCCGTCGAC
CCTCCGCGTAGGAACTCCCGCCAGCCGCGCTTCTCCGTCTATACCGCCACACCCAATCACTGGTTTTTCCGG
TTCGTCTGCGGCTATTCTTCGCGCCGCCGGGACTTATCGTCGCCATTCTTACCGGATCTTGGCTTTGGGGTCAG
TATGGCTACTGTAAAGAACCTTAAGATTAAGACAGCGACCTGCAAACGCATTCTCAAGGAGTTGTTTTCTTATG
AGAAGGAGGTGGAGAGAGAAGCTTCCAAAACAGCTGACATGAAAGAAAAAGGTGCTGACCCTTATGACCTT
AAACAACAGGAAAATGTGCTGGCTGAATCAAGGATGATGGTTCCCGATTGTCACAAGCGTCTAGAGGTGCGC
TTAGCTGATCTGAAAGAAGCCCTGGCTGACCTGGAAAAATCAACAGAAGAGAAAGGTCCCGAGTTCGATGAT
GCTCGGAGTACAATCAACGATATTGAAAGTTTTCTAAAGCCAACAGAGGAATAATTGTGAGTTTGTCAACGCC
TGATTGTTTTCAGAAGTTATAATTCAAATATTGCATTACTGTATTAGTTCTCAAATGTTTGGTTTTTGGATGTT
ATGATTATACTTTGGAAAGAGTTTCTTCTTCTGTTCTTCATTACTATCACCAAAGTGTAAGACTAAACTCTTCTCC
TGGATGTTGTGTTTTAAATATTTTGATGGCGTTTACCCAAATTTAAAGGAATAGATTTCTAAATATATGCCAA
CAGCAATCGAATACATTTGCTTGTGAATGAGTTCTACGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1718 AF281035|Lupinus luteus NADH-ubiquinone oxidoreductase subunit PSST mRNA,
partial cds

TTCATTTGCGTTTGTATCGGAAGTTCTGAATCTTGATCCGTGGCAATGGCCGCCGTGAGCCGAGCTTCCACTCG
AATCCCTCATCTGCTTGCTGCACGGGGAGCTTTGTGTCTTCATACAACAACCTCCGGCTTTGTCTTCCTCATCCAC
TGCTTCTCCGACGCCGTATGCGAGGCCGCTGCCTCCTTCGGCCTCGTCCCCGACGGGGCTTCCGAAGGCGGCT
GAGTATGTCATCTCGAAGGTTGACGACCTCATGAACTGGGCTCGCCGTGGTTCTATCTGGCCTATGACGTTGCG
GCCTTGCTTGTTGCGCTGTTGAAATGATGCACACCGGTGCTGCCCCGCTATGACCTCGATCGCTTTGGTGTATC
TTCCGTCTAGCCCTAGGCAATCTGATTGTATGATTGTCGCCGGTACCCTACCAACAAGATGGCCCCAGCTCT
TCGCAAGGTTTATGATCAAATGCCCGAACCGCGATGGGTTATATCCATGGGAAGCTGCGCAAATGGTGGTGG
ATACTATCACTACTCATACTCAGTCGTTGCGGGATGTGATCGGATTGTCCCTGTGATATCTACGTTCTGCTT
GCCCTCCTACTGCTGAGGCATTACTTTACGGAATCCTTCAATTGCAGAAGAAGATCAACAGACGCAAAGATTT
CCTCCAGTGGTGGACCAAGTGAGACCATCCATCCAAGTCAGGTATTGCTCGTTGGTGGATGCTTCAAATATA
ATAAGAACTGTATTACAAGTTTGTGGTAATGTAATAGAAGAGATTATGAGTGATGTTTCAATAAGACCCACACA
ACTGATCCTCCTTGATGATGTTTTTCCCCGTTTTCTGTTTATCTCCCCATGTTATATGGTGCCTTTGGATGGCA
AAGAATTATATGTATCTTCAAATTTGGAGTTCACTAAACACTTCTGAATTTTCACTTAAATTGATGTCCTC
TGATTTATTAATGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1719 NM_114371|Arabidopsis thaliana 50S ribosomal protein-related (AT3G45020)
mRNA, complete cds

CTAATTTCACTGCCTTTGATCTGCACCACTGTCTCTCTGGAGCTTACCCACCACCCTGTCTCGACGACATTGA
AGCTTCTTCGGCCATTATCGCCGGCAATCCACCAATATCCTCACGGCTCACTGTAACCCACCACGCTCCCTGCTT
CAGCGTTTCGCTCTCATTTCTGGGTTGCATTCATTACCCTCCCTCAGCGCCTAATTCTCATCTCTCAACGGCTTT

TGATAAAATCACTGCTGGGAATGACAGTATTAAGCGCTATGTGTTGCGATTATTCATATCTTTGAAGTACATA
ACAGCGAATGTGGTAGATAGAAATAATGGACGAGTTGTCGCAACTGCATCCACGGTGGAACACTCCATCAAA
AACTCACTTGAATGTGGTCGGTCTTGTAACGCGAAGGCAGCAGCAATTGTTGGAGAGGTGTTGGCTATGCGA
CTCAAAGTTGACGGTCTCGAACAGGGGCAAGGAAGAGGGATTACGCGGACATAAACAAAGAAATTGAGAA
GAAAGGCTTCACAAACCGCACAAAAATCTGGGCTATAGTGAATTCATAAAGAATAACGGAGTTAACTCATT
CTCAACAACAATGTCGACGACGATGCAGCTCAATCGAACTACCAATAACCATCAAAAAGCGATCTTATTGTTCA
TCCCTAAGAAAAAAGGGGTGGAGCTAGAGCTCGACCATCATGAAAGACTAGATGCTGCTAAAATGGAAGGT
ACTATCTTTGTTAGTCATAATCAAATTAACATCATCACTCATGATATTTGGAAGTTTATAAAGTAGAGGCAGC
TTTTATCTCCGCTTAGAAAATGGTGGCATATTGACATAGTGATACCACAGCACATTTGGGCTAATGATAATGT
TATTACAGTAAAATGGCCTTACATGATCATCAAACCTTACACAACCTTCTCCTCTTCTCTCTGTTTTACCTGG
ATTTTTTCTCCTTCTACTGGCTTAAGAGTTGTATAGAGATTAGCTTT

>trans_s_1720 NM_001073584|Oryza sativa Japonica Group Os12g0566300 (Os12g0566300)
mRNA, complete cds

ACCTACTCACCTAACCAGTTGTTGAAACTCTCCTCCACACCCTTATTCTTCATATCTCTCTCTATTTAATCTTCC
CATCTATTCTCCCTATTTCTCACACTCGTTGAGTTTCTTTCTCAATCGGAAGAACGTCAGCAAGTTTGTAAATG
GCTAGGAAGAAGATCAGAGAGTATGACTCTAAGAGGCTTCTCAAGGAGCATCTCAAACGCCTCGCTAATATC
GACCTCCAGATCTGCTCTGCTCAGATAAATCAATCAACTGACTTCGCTGAGCTGACAAACAACGAACCATGGC
TGTCATCCACCAGGTTGGTAGTGAAACCAGACATGTTATTTGGGAAACGTGGAAAGAGTGGCTTGGTAGCTTT
GAATTTGGATCTAGCTCAAGTTGCTGAGTTCGTGAAGCAACGCCTTGGAGTGCAGGTTGAGATGGGTGGTTG
CAAGGCTCCAATTACAACGTTCAATTGTGGAGCCATTTGTTCCCATGATCAAGAATACTACCTATCTATTGTCTC
TGAAAGGCTTGGCTGCACAATAAGTTTTTCGGAGTGTGGGGGTATCGAAATTGAAGAGAACTGGGATAAAGT
CAAGACGATTTTCTTCCAACCTGAAAAAATTTTACACTTGAAGCATGTGCTCCGTTAATAGCTACACTTCTCT
GGAGATTTGAGGAAAGATTGGTGACTTCATAATGGGTGTATTCAATGTATTTCAAGATCTGGACTTCAGTTTC
CTGGAGATGAATCCATTCACCCTGGTGAACGGGGAGCCATATCCACTGGATATGATAGGGGAATTGGATGAC
ACTGCTGCCTTCAAAAATTTAAGAAATGGGGAAACATTGAATTTCTTTGCCCTTTGGTTCGAGTGCTAAACCC
TACAGAAAGTTTTGTTCACTCTTTAGATGAAAAGACAAGTGCATCCTTGAAATTCAGTGTTTTTGAACCAAAG
GGCGCATATGGACAATGGTGGCAGGAGGGGGTGCTAGCTTTATATATGC

>trans_s_1721 NM_001057307|Oryza sativa Japonica Group Os03g0647400 (Os03g0647400)
mRNA, complete cds

CTACTAAATCATGGTCAAGCCTCACGCTTTGACCTTTTTAGCTTCAACAACAAGGAAGAGAAAGGAAAAGGAA
ACCCCTTGTTGAGCTTGATTCATTCTGAGGGTTTTTGGGGGTTTAAGCCGCCGGCGGTGGAACGACGAACCA
TTCCTCCACAGCTTACCTAATGACATCGACACTGTCATCTTGAATCCGATTGCTCCTCCGGCACCGACTAGGAT
GTCTACTTCGGAGTCGAAACTCCAAGACGCAGAATCTAACGCCGCCGAGTAAAACCTGGAAGATCAACCA
CAATCGGATTCCGCAAGTCACTCTGATGAAAAATCTTCCGAGGAAGCAAGTCTATCAGGAAAGATTTCCGAGA
GTGGAGGTGGAGACGAAGGAGGAGAAGACATAGAAGAGGAAGAGGAAGAGGAAGGGGAATGT
GGGTTTTGCTTGTTTATGAAAGGCGGTGGTTGCAGAGACAGCTTCATTGCGTGGGAAAAGTGTATTGAGGAG
GCGGAGAAGAACAAGGAGGATATTGTGGAGAAATGCTTTGAAGTGACAGGGGCATTGAAGAAGTGTATGGA
AGCTCATCCAGATTATTACGAACCGATTCTGAAGGCGGAGAAAATGGCTGAGGAAGAAGCGATTATAGAATT
GGAGAAGGAAATAGCTCCAAGTGCTTCCAGGAAGATACGAATTCCGATGAACAGAAGGCCTCTGCGGGAG
GTAAGTGAAGTTAGTTGCTGCTCGTTGGATCTGATTCTTGAAGCGGAAAAACATCATTTTGTGAGAGTACTTT
AGTTTCTAGTCCATCTTTAACAGGCTGTGGAAGATATCTTCCTTAACTCTTTGTCTTAGTGACCTAAACCTG

ATTCCTTTATCTGAAAGTATCATAGGAAAGAAGAGATCTTACCTTACACCACTTCTGATTTAATTCAAATTTCTG
AATAATTATTCATGCCATTGTTGTTTAGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1722 AB117754|Oryza sativa Indica Group DNA, indica specific region near the Rf-1 locus

TCACAATCTGATCCTTACATCTCACCACGTAACGATATCGGTCCCACCTTTTTATTTAGAAAAAGGGCAGTGA
TAAAGTTTGTGATGTGAACGTTATTCCTGAAGACTTCGAAATGGCTGAAAAGCACTTCTTCTGTTGGTTCAC
ATCAACAAGAGGATCACCATTACCACTTCCAGCCAAAGATGAGGACCAATATCATGATGCAGTACCAACCT
AGAGCTTGCCTTGGGGGCAGAGACTAAATTACAAAAGAAGAGTATGATCCCTTTCCTTGTGGATTAGTGGAT
GACAAACATAACCACAGTGAGTCTCAGAAAAGGTGATTGATCTTGAAGAAGAAGATGACTCTACATCCCTAA
CATTGTCTTTATCACTCCATTCCCAGAGAAGCAACAATCCCCAAAACTGTTTCGAAAACAAAACAGCTTCTAC
CCGATAGGTGGTATGTGAAATGTGAATACCTCACTGTTTTCTTTGAGGGTTTGTGAGAGGACTTAGGCAGC
ACGATGTTGTTACTCATCTTTATCATGTCGAATTTGCATTCGACAGAAATGTATACCAGGTTATGTTAGTTGATC
ATCTTTCAAAGGGCTCTATTATGCGAGAACCCGCTTCCCATCTGTTTCATATCCCTCTCAAAGTATATACCAGT
AATTATTTTACCTCTTTTTTCCACCTTTTTTCTGTTATGCTTTTTAGTTATTCCTATTTGAGCACTTTTGACTTT
TTTAAGATCAGAATTACGGCCGTTTGTATATATAAGTAGAATGCAAAACAGAAATAATATTTGCTTGCTAACAG
TCAGGTTTTACAAATTAATATGTTCTTAAACACTACTCTGTCTCTCACTCTGCTGCCCTCCTATAGTTCATATGT
TGAATATCAAATTTTGAAGATATCATGGTTTTTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAACCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1723 XM_002878798|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata octicosapeptide/Phox/Bem1p
domain-containing protein, mRNA

TGGCGTTCACGACAAGTTGTTGGAAATCTTACTCATTACAAAAGTACAAACGGATTCTACGGTTGATTTTCAAT
TTCATTTTCTCTTGTCTAAATTTATATCCCTCTTCTCCACAACCAATTTCTTCCCTTCTTCTCACCCTGAGA
TTCTCCGGATTAATTTCACTGCTTCATACATTTCTCAGATAAGTTTTCTTCCCACATTTCTCCACCACTATAATC
CCCTGCTTCTTCTCTTCTGCTTTTGTCTGTTTTTATGTTTCATAATTGGCCCTACTTTATTCTGCATTTCAAT
ACACCCGAGTTTGTGTTTCTCGGTACTTTTTAGGGAGTTTTTACTTACGAATTTGTATCTATAGCAATTGTTTGT
GCGAGGGTTTGATTCTCCTTCTTCTGACTAGTCAAGTTTCGTTGGTTTGGATTGCTTTGAAGTTGTGTAGTTG
TAGAAATTAGGTATTTTCTTGGTTCTTGGTTTTTCATATTGATTGATTTTGTATGGGAAAACAACTGGAAAG
AAGAAAAAGCTGATTGGTGATAAATTTCTGTGAGGCGATTTCGAAACATCGCCAAATGGAGATGGAAGTTGT
CCAAGTTATGACAAGGACCATGTTATTTTCACTACTATGTCCAGGTTTTAAAGGATGAGGGGAATAAGTTGTT
CCAGTCTAGAGATCTTGAGGGAGCAATGTTGAAGTATGATAAGGCCCTCAAATTGCTTCCAAGGAATCATATA
GATGTATCGTATCTTCGGAGTAACATGGCAGCATGCTATATGCAGATGGGGCTTAGTGAGTATCCACGAGCG
ATCCACGAGTGCAATTTGGCTCTTGAAGTTACGCCAAGTATAGTAAGGCATTGTTGAAGCGGGCCAGATGTT
ATGAGGGTTTGCATAGGTTGGACTTGGCTTTGAGAGATGTTAAGGCAGTTTAAACATGGGAGCGAATAATA
TAATGGCTTTAGAATATCAGAGAGATTAACCAGGCATTG

>trans_s_1724 NM_129023|Arabidopsis thaliana ACD11 (ACCELERATED CELL DEATH 11);
sphingosine transmembrane transporter (ACD11) mRNA, complete cds

ACAGCTTAAATCCCAACATTTTTCTTCTTCTTCAAAAAGACCCTTTGGCTGCTTCATCTTACCATATTTCAATG
CCGCAACCAGCTACTAGAGACACGCTGCAAAGAAACGAAGGGAAAAAACAGGTTTCAGAGGAGGGCTGCG
GCGTCGGTTTCAATTTCAAAGTACGACTAGGCGTTGGTTACGATTTTCAAGGCAAACCTGCCCGAGTGACA
GACGGGCACCTAGGTCTTTCTGATGGGGGACCTTGGCGTAAAGCCGCTGCGAAATATATCTGAGTCCTTCAA
GCCCTTGAGCCACTGTAAATGCTGAAAATACGACGGTCGAGGTTGCGCCGTTTTCTGAGCCTGCTCCTTCAT
TTCGCTCTTTTTGTTGCTTGGGCATAGCATTCAAATTTGCAGAAATGGACTATGTTGCTAAGGTTAATGATC

TCGTAGAATCATCTAAGTCAATTGTATCTCTACAAGCGTTGCTGGACAAAGATATTGAATCTGACTGTGTCAGG
AAAGCTGGTAGCCACTCGAGAAATCTCTTGAGAGTAAAACGTGGGCTTGACATGGTCAGAGTACTCTTCGAG
CAAATTCTAGTTACAGAAGGCAATTCGTTGAGAGATCCAGCTTCAAAAGCATATGCACAGGTATTTGCTCCTCA
CCATGGGTGGGCTATCAGAAAAGCTGTTGGGGCAGGGATGTATGCTCTTCCTACAAAGGCACAATTACTAAG
CAAGCTCAATGAAGATGAAGCCTCAGCCAGAATTCTGATGCAAGATTATGTGGCTGCTTCTGCTCCTGTGATT
AGTATGTTGAAAAGCTCTTCTCTCCAGAGATTTTGGGCGTCGATTGGTAATATATCAACTACATATTATTATCT
AAATACTTTGAGCCCTGTATATGTAATCTATTAATGTTTCTTGGCCCTCACCCAGAAAAGAAAGAAAAAAAT
AAAAATGCAATCAACTAGAAATCTTCTCTTGGCTTTATTTGAC

>trans_s_1725 X64562|L.esculentum mRNA for ribosomal protein L2

TCCCTTCCCCTTCCCCTTCCCCTTCCCCACTTCCCCAAAACCCTAATTTCCATTCTCAATGGGTCTGTGATCAGA
GCTCAACGTAAGGGTGCGGGATCTGTCTTCCGCTCTCACACTCACCCGGAAGGGCCCCGGCCCGTTTCCGGT
CACTCGACTTCGGCGAGCGTAATGGCTACCTGAAAGGTGTGGTCAGCGAAATCATTACGATCCGGGCAGAG
GTGCACCGTTGGCCCGTGTTACCTTCCGCCATCCCTTCCGCTACAAGCACCAGAAGGAACTCTTCATCGCCGCT
GAGGGTATGTACACTGGTCAGTTCGTTTACTGCGGGAAAAAGGCTAATCTTGTTGTTGGTAATGTGCTCCCCA
TTAGAGCCATTCTGAAGGAGCTGTGGTTGTAATGTGGAGCACCATGTTGGCGACAGAGGTGTGTTTGCTA
GATGCTCTGGTGATTATGCTATTGTTATCAGCCACAACCCAGACAATGATACCAGCAGGATTAAGCTACCATCT
GGAGCGAAGAAGATTGTACCCAGTGGATGCCGTGCTATGATTGGTCAGGTTGCTGGAGGAGGAAGAACAGA
GAAGCCTCTTCTTAAGGCAGGTAATGCTTACCACAAGTTCGCTGTCAAGCGTAACTGCTGGCCGAAGGTGCGT
GGTGTTGCTATGAATCCAGTTGAACATCCCCATGGTGGTGGTAACCATCAACATATTGGTCACGCCAGCACTG
TCCGCCGTGATGCACCTCCTGGTCAAAAGGTTGGTCTCATTGCTGCCAGAAGAACTGGTCGGCTCCGAGGACA
GGCTGCTGCTACTGCTGCCAAGGCTGACAAGGCTTAAAGTGATTCAATCGGTTCCAGACTTATTTTCCATAATC
CTTAGCCCCCTTACATTATGTTTGATTGGATTTGCATTTGTTGAAGACCCTATTTAGAAGTTTTTGTTCCTAAAT
TTTGTTACAAAATCCTTTTTTGAACATAATATTCCTCGCACCCCT

>trans_s_1726 FJ619049|Jatropha curcas ubiquitin conjugating enzyme 2 (E2) mRNA, complete cds

AGTTTTCTTTTTCCATTTCTTCGTCGTTTCTCATCCTCATCCTTTCTTCGTCCTTCTCACAACAACAAACCCTCAC
ACCACACCCTAAAGCTCCCTCACCTCAACCTCCTCTCTCTCCCTCTCTCTTCATTTTTTTAGCTTTTGCGGATG
GCGTCGAAGAGGATCTTGAAGGAACTCAAGGATTTGCAGAAGGATCCTCCTACATCATGTAGCGCTGGTCCA
GTTGCCGAAGACATGTTTCATTGGCAAGCTACCATAATGGGTCCTCCAGATAGTCCTTATGCTGGGGGCGTCT
TCCTTGTCACCATTCATTTTCTCCGATTATCCTTTTAAGCCTCCGAAGGTGGCATTTAGAACAAAGGTTTTCC
ACCCAAATATCAACAGCAATGGTAGCATTTGCCTTGACATCTTGAAAGAGCAGTGGAGCCCTGCCCTAACTAT
TTCCAAGGTCCTACTTTCAATCTGTTCACTGTTGACGGATCCAAATCCGGATGACCCCTCGTGCCTGAGATTG
CTCACATGTACAAGACTGACCGGAACAAATATGAGACAAGTCTAGGAGCTGGACACAGAAGTACGCCATGG
GCTAAGCGATGGTGACTTTAATGATAATGCATTTAGATTGTCCCAATTTTTATGCTCTCACTGTCTGTTCTATAT
ATGAATGAATCCTTTATCTCTCGGTCTGTTGCAACCATCGTATGCTGATGCTTGAGCAAAGAAAGGTCGTTAAC
ATTTCCCTTTTCAATCCAATTGGAAAATATTTTCTATTTGGTTGTGTGGATTAATATAATAACAATATATAAGAC
ACTGAAATGTATCTTCGGTTCCTTTTTCTTTTTCTCTTTTTTGGTTATTTTATGCTCTGTTTTTCTTCGCTGTTT
ATAGACCAGACTACTTCATTGTACATTTGTTTCTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1727 NM_001057415|Oryza sativa Japonica Group Os03g0673800 (Os03g0673800)
mRNA, complete cds

CTATCGTCTGGATGGGCAAGTTTGTCTTGGAAGTCATGCAACTTTTTCTCTTACTTGGAAGTCTTCAGAAGA
TGGATATTTAGAATCAAGATTGAACCCCTTTATGAACCCCTTGCCTTTCCATATCACACCGAAGTTCCTCGAATT
CTCCTCTTCGGTTTCCTCGGCTTACTTGTTCCATTTGGCTCCTTGATCACACCGTTCGTGCTGTTTTACTTTTT
TCTTGCCTACCTTGTTTACAAAAACCAGATTCTCAACGTGTATATATCGAAATACGAAAGTGGGGGACAATTTT
GGCCCATAGCTCACAACACAACCATCTTGCTATGGTAGTGGCTCAAATAATTGCTCTTGAGTCTTTGGTGTA
AAAGAATCTCCAGTTGCTTCAGGTTTCACAATTCCTTTGATTGTCGGCACACTCCTCTTTCATGGGTACTGCAG
GCAGCGATTCGTCCTATATTCCGAGACCCAGCTGCAGAGGTGCTAATTGAGATGGACAGAAAAGATGAAGA
ATGTGGGAGGATGGAAGAGATGTATCAACAATTGCGTACAGCCTATTGCCAGTTCACACTCTTAGCTAAGCGA
AACACTAGTACGTCGGGGTGTTTCGAGTGGTCACGATAGTGAAAGCAATGTGACAGAGCTGGAAAGCGCTAG
ACCAGGTTACAGTCTAACAACTTCTGGCTGTCATTCCTTGTTGAAGAAACCATGTTGAGTAAAATTTGTGGGC
ATCTGCTTTGTTTTGTTGAAATTCAGGGAATCCCCAGCAAGTAATTGAGTTGTGGAATGCTCCTTCTTGTCATTT
GAGTGAACCACTACTCATCAACCAAGTAAATTCTCAGTCTTTATTTCTTTCTTTTCATCCCAAACCAATTGTTCT
GTTAAATGTACAAAATTTATGTCAAATCTTCATTTAGTAAACTACACTGTCCAATAAAAAAGTTTCGCTCTTTTT
GGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1728 AB435243|Cucurbita maxima CmPhoL1 mRNA for alpha-1,4-glucan phosphorylase L
isozyme, complete cds

CACTTATGTGCAAGCCAAGAGGATCGTGAAGTTCATTACAGATGTGGGGGCTACAGTAAATCATGATCCTGAA
ATTGGTGACTTGTTGAAGGTAATTTTGTCCCGATTACAATGTCAGTGTGCTGAACTACTTATCCCTGCAAG
CGAGTTGTCACAGCATATCAGTACCGCTGGAATGGAAGCCAGTGAACAAGTAATATGAAGTTTGCAATGAA
TGGGTGCATCCTGATTGGGACTTTGGATGGAGCGAATGTTGAAATAAGGCAAGAAGTGGGAGCTGATAACTT
TTTCTTGTTTCGGTGCTGAAGCCCACGAGATTGCTGGGCTTAGGAAAGAAAGAGCCGAGGGAAAGTTTATTCC
GGACCCACGCTTTGAAGAAGTGAAAGAATATGTTGCAAGTGGTGTTTTGGGTCTTATGATTACGAAGAACTG
ATAGGATCATTGGAGGGAAATGAAGGTTTTGGTCGTGCGGATTATTTCTTGTTGGGAAAGGACTTCCCCAGTT
ATATCGAATGTCAAGAGAAGGTCGACGAGGCCTACCGGGATCAAAAGAGATGGACGAGGATGTCAATACTG
AACACGGCAGGATCATACAAGTTCAGCAGTGACAGAACCATTACGAATATGCCAAAGATATATGGAGCATT
AAGCCTGTGCGAGTTACCATAAAATGACATGTGTGTTTTCTCAAATAAAAAATCCCAGAATTCAAATTTGGGTTT
TGAAGAAGAAGCGTTTGGGTAGCATTGTAGAGAATGTTAAGTGGTCAGGAATAATATGTAGTTATTGTCAGT
AGAATGTATTGCAATTTAGTCCCTATCCATTTAGATACATTTAAGTGAAGTCTAGTAATCAGGATTTTCTCAGTT
TATCAAAAGACCCTGAGAAAAATACCGTTTATAATAAAATCTCTTTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1729 XM_002875478|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transferase family protein, mRNA

AAAAAGCAAAGACGGAAGCCAATTCGTCATCATTTGTATGTTCTTTAGTCGTTTCCAAGTTTAAACCACCCA
AAGTTTTGAAAAATCTAATTGATTATCCCATCAGTTTCTTTTATTATCAATGGCTAACTTTTCTCTCTAAAGT
TAATTGACGTCTGCAAAGTCTCTCCTTCTCCGACAGCGGCGGCACCGTCATCTCTCCCTCAGTTTCTTTGATT
TGATGTGGCTAAGGTTTCATCCAATCCAACGTCTTTGTTCTACGAATTTCCATCAAACGAGATTCGTTTCACG
ACACCATTGTTCCAAAACCTCAAGAGCTCTCTATCTTACTCTTCGTCATTATCTTCCTCTGGCTGGCAATCTCGT
TTGGCCATCTCAATTTGATGTACCCGTCGTAGAAATTTGTCGAAGGCGATGGGGTTTCCATGACAGTGGCGGAG
TTTGACGGTGACTTCAATCATCTTTCTGGTAACGGGTTTCGAGAAGTTTTGGAATTTATCCTCTTGTTCTGAA
TTGCCAATCTCTTATGATCGTGCTGCAGTCATTGCTATCCAGGTAATAATTTAGAACAAGGTTTTTCATT
GGAATAACCAATCACCATGCAATCATAGATGGAAGAAGCTCAACTTCATTCAATTAATCATGGGCTCAAATTT
GCATGGAAGAATCCTCTATACCAACCCCAAGGAAATGCCATTATATGATAGGTCAGTTATAAATGATCCAAA
AGGTCTTGCAAACTCTATGCAAAAGCATGGCAAGACCTAGAAGGACCCAACAACAAAAGCTTAAACCTTAA

ATGCCCCGAAACAAAACATGGTTTAATTAGAAGCACTTTAGAATTCACACACCAAAACATTCAAAAAGCTAAAAG
AATGGATCTTGAACAAGAAGATCAAAAATGAAAATTTTGATTCTTCTTCTCTCACATATCTTCTTTTGAATAG
CAACAGCTTATCTTTGTATTTGTACAGCCAAA

>trans_s_1730 NM_001062294|Oryza sativa Japonica Group Os05g0460800 (Os05g0460800)
mRNA, complete cds

AAGAGATCCAAAACAAAACCCCCCTAACTTAATTCCAATCTACTTCTCTACTCCCAGATGTGATTTTTACCTAG
ACCTGAGAGAAGGGTATAAACTTTCTATTTCCATTTCGAATTTGAAGCTCAACAAGTGGGTACTGTTCAATTT
ATCAACAACCCAATGTCTCGTCTATCGAACTTGATCTTCTAACTTACAATCCCTCCAGGGTTTTGGCTGGATG
GTTTCTCTTTACAGACTTGTTGGGAGATTTTGTAGCCACTAAATCTACTAGTGGTGCTTACTCGTCTACGGGAGA
ACTTGTCTGTTTCCTGCAAACCTGCTGCATTCTTGGAAGTCATTCATGGAGCTGTTGGCCTGGTACCAACTGGAG
TGCTGCTTCTCTAATGCAGTGGGGTGGGAGGGTTCATTTTGTGGTTGCAGTTCTTCGTCAACTTGATGAGATT
CAACAGTTGCCTTCTGTGTTCACTTTCTTGCTGGAGCTTATCTGAGGTTATCAGATATTTTACCATGCTT
TGAAGTCTTGGGAGTTTGCCATTTTGGCTTACATATCTTAGGTACACTGCATTCATAGTCCTCTATCCTATTG
GAGTGACAATTGGTGAAATGTGGCTCATGTACCAAGCAATTCCATTTATGATAAAGAAGAACCTCTATGCAGA
TGTCTTTGATTACCTCCCCTTGAGCTATTACAATTCATCAGGGTCTGCTTCTGTCTACCCATTATTGTTCTTG
AACTGTACCTTTATCTGTTCAAGCAAAGGAGATCAAAATTGGGCAAGCAGCATAAGAAGAAGAGAACTAA
AAGTTTAGGCTAATCTGGTATAATCTACGGTAACTATACTCATATTCTTGATGTTTGAACAATTTAGACATAT
ATAATTGTTTGACTTATATTGAAACACTTCACAAGATGGTGAATTGATTCTATAGCATCTAGTGGTAACCAAGT
AGTTTCCTATGGCAAAAAAGTGTTCCTTGAC

>trans_s_1731 XM_002870729|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata v-SNARE AtVTI1a, mRNA

AACAAAATTTTGGTGCTTCTGACGGGGTCCGTTTCGCACTCCACCTGCCGTTTATTAATTCTTCCAATTTCTCG
TTCTACACAATTCCTCATTCTCTGGGCTTTGCAATCTTTGATCCTATCTGGTTTGGGCACGATGAGTGAGGTGTT
CGACGGATATGAACGACAATACTGCGAGCTTTTCGGCGAATCTGTCAAGAAAATGCATTCGGCTAGTGCCCTT
AATGGAGAGCAAAAGAAGCAAAAGGTTTCTGAAGTAAAGGCAGGAATTGATGAAGCAGAAGCTCTGATTCTG
GAAAATGGATCTTGAGGCCAGAAAGTTTGCCGCCTAATGTCAAGGCTGTCCTTCTAGCTAAATTGAGAGAGTAC
AAATCTGACCTCAACAACCTAAAAAGTGAAGTTAAACGCATTGAATCTGGAAGCTTAAGTGCAGCCACTAGAG
ACGAGTTGCTGGAATCAGGAATGGCTGATACATTGACGGCATCAGCTGACCAAAGGTGAGATTAATGAGCA
CAACAGAGAGGCTAGGTAAGTCAAGTGATAGAATTAAGGAAAGTCAAGAACCATGCTAGAAACCGAAGAA
CTTGGAGTTTCAATTCTTCAAGATTTGCACTCGCAGAGACAGTCTCTTGCATGCTCATAATACGCTTCATGG
AGTAGATGACAATATAGGGAAGAGTAAGAGAATTTTAACCAACATGTGCGAGAAGGATGAACAAGAACAAT
GGATTGTTACATCCATAATTGTTGTTCTTGATTGGCCATCATCCTGATATTGTACTTCAAACCTACCAAATAGT
AAGGATATATATATATATATATCTTTTCTTCATTTGGGTTTGTATATTGTTGTTGAGTGTGTTGAAACATGAG
TTCATGGTTTATGTATTTTCTGGGTCTTTGTGAGTTGTACATGGCTTATGTCATGATTAATATATCTTGCCAG
CATCTTTGTCTTAATTAAGATGGGCAAGTGTCCAATACCATTT

>trans_s_1732 BT011677|Arabidopsis thaliana At1g31780 gene, complete cds

TCGCTGTTGATCTCTCTCCACCACCGGCAGTTAGAGAAGGGGTATCTGTGCTGCTGGAAATAATTGACACTTAC
AATAGCATGATGGTTCCAGCTTCAGGGAAAAAGGCTGCTTTTGATCCAGTGTTATCTGCTTTACTCGATCCCAT
AATTCAGATGTGTGAGCAAGCAGCAGAGATTCACAAGTCCAAGGGATCTAGCCACATATCAAGAAGGGGTAG
GACGAATTCTGGTTCCAGTCAGAATAGCAAATCATCAGTAGATGCACTATTGTCCCAAAGCGGCCCTGCTCCA
GCCTCTCAGGACACCGAAACACCTTCTAAGATCTTTCTGATCAATTGTCTATGTGCCATCCAACAACCATATCT
GGCCACGAGGTTGCAGCTGGATATGTCAAGAGACTTGGAGTAATGATAAATAGTCACTTGAGCGTGCTTGTT

GAAAAGGAAGTGGCTGCAATCTTACGAAGGTGCGACCTATCTCAAAGATGACATACTTCCATAAAAGCTTAG
AAGCAGGCAATGCAGCGGATGGACTACGATTGGCCGAGATTCAAGACACATCTCCCGCTTCACTTTCAGAAA
GCTTGAAGGCTTTCTTTGGGCTTGCTTTGGGAAGTGAGAGTTCCCTTCCCGAAGTTGAGCTATTACAGGTTCT
AAATTGCGATCGGAAGCCTGTATTCAAGTGGCTCGATCACTGGCTGAAGCTTATGAGCTTATATACGATGCAA
TCATGGATCCGAAAAACGGGTACCCAGACCCCAAGTCGCTTGCAAGGCATCTCCAAACCAGATAAGAACAAT
TTTGGGGATATAAGATATTTGATTTGAGATATCATTGCATTGAATAGGTTGCCGTTTAGTGTTTTTTATGAGTC
TAAAGCTTTAGATTAAATGGTTGTATGTTGTACAGAATGCGGTCTAGATCTATTACATGATTAGGCTGCCAATA
TATTTGCTCTGTCCAAAAA

>trans_s_1733 AJ316582| *Atropa belladonna* complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

GTATTGCTTATCAATAATATTCGATTTATAATCTATCGATGTGATAGGGCTCATTTTTTTTCTTTGTGATGATAA
ATGACCTACTTAAGTCAAGTGGTTAGAGTATCGCTTTCATACGGCGGGAGTCATTGGTTCAAATCCAATAGTAG
GTAGAACTTATTAGATACACAGAAGCAATGGTATCTAATAAGTTTTTCTACTCACTTTGTTCTAGTGATTTTC
TATCTTTTCCATCCGACTCTATATTTATTTCAATTTTTAATTGTAATCTTTTTTCCATGAAAATTTCAATTCATTT
ATTATTTAGACGCATTAAGTACGCCATTGATAGCCTCTACTCGTGTCTAGCTCGTCTGAGAGCTAAATT
TGCCTCGATTGTTTGTCTCTTGCCCTGAGCTTTCCTCAAGTTGGCTTCCGCTATTTGAGAGTTTGCTGAGCTTC
TTGTGGATCAATGTCACTAGCCTTCTCCGCATCATTTACTAAAATAGTGACCTCATTATTGCCTATTCTAGCAAA
ACCACCCATCAGAGCCATCGTTAACCATCCATCATTAGGAGTAAGGCGTATTTTCAAAATACCTATATCTACAG
CTGTGGCAATAGGTGCGTGATCTGGTAATACCAATTTGGCCACTATTCGTAAGTAAATGATTTCTTTCACT
TCTGAATCCCAAATAATTCGATTTCGGAGTCAGGACACTAAGATTTAAGGTCATTTCTTCAATTTGCTCTCCATTT
CTAAGTTTCGTAGCCTTCGAGTAGCTTCATCGATGTTACCTACCAAATAAAAGGCTTGTTGCGGAAGACCATCT
AATTCTCCGGAAGGATTAATTTAAACCCTCTAATTGTTTCTGCTAGGCCAACGTATTTACCCGGGGAACCGGT
AAATACTTCTGCTACGAAAAAAGGTTGTGATAAGAAACGCTCAATTACCTATGCTCGTGCTACGGTTAAGCGA
TCCTCTTCGGATAATTCGTCCAACAAC

>trans_s_1734 NM_001054263| *Oryza sativa Japonica Group* Os02g0677600 (Os02g0677600)
mRNA, complete cds

CTCTCAACACAAGACCTACCATAAGAGAGTTCCCCAAATGGGGTGTAAGTAACTCTCCCAATACCCCAATTC
TCTTCAAATTTGCCACAAAAAGATCCAAACTTGAGGGCAAAAGCATCAATTTTTCTCCACTTCTGTCTCAACA
ATCAAAACCAAGAAACACCCACAAAGATCCCAAAATCTAATATTTCCACTGTTCAATTTCAAGTCTCTCACAGCTT
GCAAGCTTGGCATTCTAGATTCCCTGATTTCCGATATAATGCTGAAGGAGGAACAGGAAGTGGGTCTGTCAA
GATCCACGATGATAATAGCAGCAGCAGCCGACTTTAGTTTCTTCGATGTTGACACCTTTATATCCCACCAT
GACAACTCAAACCACTAAGTTTCTGGGTCTTCATTGCCACCGTTTCTGAAGATTGACATTCTCCTGAATTCTT
CCAAGGAAGCATCAATCAAGAGTCTGGCAAGGTTGAGCTTGAATTTGAGTCAAAGTTCATATTCTCAATTGGG
AGTTTGTATAAAGCTCCTCCATTGCTGGTAAAAACCGTGCTGAGTTCTGAAGAATCAAGAGGAATCATAAGAA
GTGGAAAAGGAGAGAGATTGGATGATAAAGGAAAGTGAGATTGGTAGGGGTGGCTACTGTTGACCCTATT
GATGATTTGTTTCTCAATTCCTCTCTCTCCCCACTGAATGTATTGCAAACCTCAATGCTATAATCACATTCT
CTTAGAGAGACAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTATAATAACACATTGATGTAATTGTTTGGGA
CAAAATCAGACACATACATATTTGAAACAAATAATTTAATGCATAGGTAGTTGTTCTGGTCATCCATGATTTG
TGTTTGAATTTTGTCAATTGCAATTTTTTATAACCTTTCTGCTGGTTAAGAGCAAAAGAAACAATATCTTTTTGT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1735 NM_001056856| *Oryza sativa Japonica Group* Os03g0402000 (Os03g0402000)
mRNA, complete cds

AAGGACGAAAATGGTATTTTGAGGAGTTTGTCTCTGCTCCAAAGCCTTTCTGCACCGTGACCGCCCTTATCG
TCGGCATCGGCTACACTCTTCGCTTTCCGAATCAATTCTCCGGGCCAATAAGTACAGCGTTTTCGAAAACCTTTTC
TTCGTGCTCAGCTCACAATTCAGATCCATCATGCCGACCGCTGGCCCTCGATCTGGTGATGCAATCTTCGCTAG
TGTTGAGCGAGTGAATGCGGAGCTGTTACCTTGACTTATGGAGCGACTGTCCGTCAATTGCTTACGGATCTA
GAGGAGGTTGAGGAGGTTAACAAGCAGCTCGATCAGATGGGTTATAATATTGGAATCAGGCTGATTGATGAA
TTTCTAGCAAAATCTAATATCTCTAGATGTGTGGACTTCAAAGAGACAGCTGATGTGATTGCAAAGGTTGGTTT
AAAGATGTTTTTGGGAGTGAATGCAACGGTGACCAACTGGGATGCTGAAGGCACATGCTGCAGCATTGTTCT
GGAGGACAATCCATTAGTAGACTTCGTTGAGCTTCCTGATACTTGCCAAGGTCTCCATTACTGCAACATTTTAA
GTGGAGTAATTAGAGGAGCACTTGAGATGGTGTCAATGAAAACAGAAGTAACATGGCTACGGGACATGCTG
AGAGGAGACGACAGCTTTGAATTGCAAGTAAAATTGCTGAAGCAAGTCCCTGAAGAATACCTTATAAAGAC
GATGAATGAAATCACCCACCAAAGTCACTCTTAGTTTTACGTCATTTCTCTCTGTTCTTTCTTTCTTTCTTTTCT
TTTTCTTTTTTTTTTTTTTTGTACTGTGCATTTGCTCCAGAAAGAGATAGTGACGTTTCTAATTCCTCAACCATCT
AACATCGTAATCAAAGTTATATTATATATAACATGTTTTCTATTGTGATGGGTTAAAATGAATTTATATGGTAAA
ATAATTTACAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1736 NM_101800|Arabidopsis thaliana KCS4 (3-KETOACYL-COA SYNTHASE 4);
acyltransferase/ catalytic/ transferase, transferring acyl groups other than amino-acyl grou> (KCS4)
mRNA, complete cds

AGAAAAATAAAAAAGGAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAAAATTCCACTCTCTCCCTTCCATTGAAATTCCTTT
CGCATCGGATTTCGTCTTCGTTTTCCGTTTTCATTTCCACAGATTTTGCTTTCTCTGATATCACTCGCCGGAAAATC
CTCCGCCGCTCCTCCATGGACCGAGCGGCCCAACCCCTGCTCCCACCAGTGGCTCCGGTACTGGTGCCCTTC
GGATCCAACATTCCACAAGATTGCCTGATTTTCTTCAAAGCGTCAATCTCAAGTACGTCAAATTAGGGTACCAC
TACTTGATTTCTAATCTATTAACCTTGTGTATTGTCCCTTAATTGCCGTTACCCTAATCGAGGTTTCTCAAATGA
ATCTCGATGATGTTTCGTACCTTTGGTTTCATCTCCAGTACAATTTGGTTAGCGTCATCATTTGTTCCACTGTCA
GGTTTTCGGTTTGACGGTTTATACTATGACTCGTCCTCGTCCTGTTTATCTTGTTGATTATTCCTGTTATCGCCCT
GCCGATGACCTTAAGGCTCCATTTTCATCGATTTCATGGAGCATTCCAGGCTAACAGGGGACTTTGATGATTCCTC
CCTCGAGTTCCAGCGTAAAATTTTGAGCGCTCTGGACTTGGTGAGGAAACATATGTTCTGAAGCTATGCAT
TGTATTCCTCCTACCCCTCCATGGCTGCCGCTAGAGAGGAGGCCGAACAGGTCATGTTTGGTGCTTTGGACA
AATTGTTTGCTAATACTAATGTCAAACCTAAGGATATTGGTATTCTTGTTGTTAATTGCAGCTTGTTTAACCCAA
CCCCTTCACCTTTCTGCTATGATTGTTAACAAGTATAAATTGAGGGGTAATATAAGGAGCTTTAATTTANGTGGG
ATGGGTTGTAGTGCTGGGGTTATTGCAGTTGACCTTGCTAAGGATTTTGTGTCAGTTCATAGGAACACTTTAG
CTGTTGTTGTCACTACTGAAAAATTAATCTC

>trans_s_1737 U22260|Nicotiana tabacum UMP synthase (pyr5-6) mRNA, partial cds

TGCTCGACATCGCCGAGAAAGTCGGGCCAGAGATTTGCTTACTGAAAACATCATGTGGATATACTGCCAGATTT
CACCCCAGACTTTGGTTCCAAACTTCGCTCGATTGCTGAGAAATACAACCTCCTGATTTTGAAGATCGCAAGTT
TGCGGACATTGGAAATACAGTTACAATGCAGTATGAAGGGGGTATTTTTCATATATTAGACTGGGCTGATATA
GTCAATGCTCACATCATCTCTGGTCCTGGAATTGTCGATGGATTGAAATTAAGGGGGCTCCTCGAGGTAGGG
GTCTTTTACTGCTGGCTGAAATGAGCTCAGCTGGAAATCTTGCCACGGGAGACTATACATCTGCAGCTGTAA
AATTGCAGAAGAACATTCGGATTTTCGTCATTGGCTTCATTTTCGGTTAATCCAGCATCCTGGCCAGGTGCACCTG
GAAATCCAACATTTATTCATGCCACCCCGGTGTCCAAATGGTTAAGGGTGGAGACAATCTTGGACAGCAATA
CAATACCCCATATTCTGTTGTATACGATAGAGGAAGTGATATCATAATAGTGGGGCGTGGGATAATAAAGGC
AGCAATCCTGGAGAGGCAGCCCGAGAGTATCGTTTGCAAGGATGGAATGCATATTTAGCTAAGACTGCTTA
GAAGTTAGAAAAGTCGTTCAACTAAATTAGCTTTAGTAACAACATCCAATGAATGCCAGTTTCTCTTCTGTTTTT

>trans_s_1738 AB012080|Cucumis sativus CRR72 mRNA, partial sequence

>trans_s_1739 NM_179560|Arabidopsis thaliana wound-responsive protein-related (AT1G75380)
mRNA, complete cds

>trans_s_1740 NM_001055528|Oryza sativa Japonica Group Os03g0152600 (Os03g0152600)
mRNA, complete cds

ATCCTTAGATTCTTCACCCCTCTTCTTCACATTCTGATTCTTCCATTCTCTCTACACCAATTCCCATTCCCCATTCTTC
TCAATGCTCTCATCCATGGCCGACCCCTTCTTTCTTCTCTTTCTTCTTCTCTCTCTCCCATCCTTCCCTCCACCTT
TCCCCCTCTTTCCTCCCACACCCTTTTCTTTTTTCTCCAAATTCCCTCTCTCCCATCATCGCCCATCTCCTCTCCTT
CGTTTCTCCCTCAAATCCTCCTCCTCTGGAGGCTTCATGGGTGACGACGATTCAATCGGATTGTTTCCTTGGGCC

GACGGTGATTCTGAAATCCATTGGGTTCTGAGGAGCGAGTCACATTGTTACCCCTGATGGGCTGGTTCAGA
TTGGAGGCTCCATTGTCCCTCGAAGAATTTCTTCTTCAGATAAAAAACAAGGGAAATCAAAGACTTCCCAAAG
ATTCCAACGGTTTCAAGAGAGTGATTACATGGATCCAAAACAGAGCATATGTCTTGGTGCTCTATTTGATATTG
CAGCTACCAATGGACTTGACATGGGAAGAAGACTTTGTATCTTTGGCTTTTGCCGTTCAAGTTGAGATGCTAAG
TGATGTTGTGGAGGACATTGTTTTGGAGCAAGGTGGAGAGTTGTAGCAGCAGAAAAGGCAAGTAAAGGGG
AATTGCAAGAGAAGCTAACCATGACAGTTGCTGTGCCACTTCTATGGGGGGTTCTCTGCTTCTGAGACTCTT
CACTTGGCCGTTTCAGAGTGGTGGAGGTATTGTGGAGAAAGTGTATTGGCAATGGGATTTTTTGTAAAGTATG
ATATTCTTTCAGCCTTTTAAGTTCTATTAACCATTTTCGATTGTGCATTCTGTACATAAAATTGATGTAAATATATG
TACAAAACCTCAAAAGGGCAATTGTCACATGCTATTTTAACTATAAATATTGAAAATCTATCAAATTATACAGCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1741 NM_001054003 | *Oryza sativa Japonica Group* Os02g0622400 (Os02g0622400)
mRNA, complete cds

ACTACTCCAATTCGAATCTCACCATTTTCCGATCATCTCCCTTCTCTCATTGCTCCAATCACACCTCGAAAAA
AACCCAACTTTTTCTTACTCTAGCAAATGGAGGGAACTGTGTTACCCCTGCCTTGAAGGAATTCAGCATGT
CAAATCTGAAGCCGGGGAGATTTTGACCAAGCCTTTCTTGAAGCCTGCAAACATATTCTGCCTGTTATTGACA
AGTTTGGAGCTGCTATGGCACTTGTTAAACTGACATTGGAGGCAACATAACGAGATTGGAGACCAAGTATTC
TAGCAACCCAGCTGGATTCACTACTTGTATAACTTGGTGAAACCTGAGATTGAACTAAACTGCAAAAGGA
TCATCCAGTTGCACAAATGGTCTTCTTTGGTTGACAAGAGCAATGGATTTCTTGGTAGAACTGTTTCGCAACTT
ACTGGAGCATCAGGATTGGGCAATGTCTCGTGCCTGTACAGAAGCCTATGGCAAGACCTTGAAAAAGTGGCA
TGGTTGGCTGGCCAGTTCAAGTTTCAGTGTGTCATGAAGCTTGCTCCTGATCGTAAGAAGTTTATGGAAGTT
ATATCAGGCAATGGCAATGTTGAAGCTGACATAGAGAAATTTGTACAAATTTTTCACCTCTCCTCCAAGAGAT
TCACAAGTTTCTGGCTAGTGTTGGCATGGATGATCTCAAGGCTTCGTGAGAGACTAGTTGTTGCTGAAAATGA
AGATGGACTTCTCCATTATATTGTGACTTCCTCTTTGCGCTTATATTGATGGCTTATTTGAGATCCCTTTGACATC
CTTAAATTTGAGACATAATCATTAACCTTTTTTAATCTTATTTTCTTCGATTTGATAATCTTATATTTCTATTTGT
ATGTGCTTTTGTGTGTGCCATATCACAGCTGGGCTCATCAACATTTTATATTCTGATTTCTGACGGGGATTGGA
ATCTTGTAATCCCTCTTTAATACCTTTTG

>trans_s_1742 NM_202194 | *Arabidopsis thaliana* interferon-related developmental regulator family
protein / IFRD protein family (SAT32) mRNA, complete cds

TGATTCTTGCCAATCTTTGGAATTAAGTTTCAACCCGTCCATAGTTGTAAGGACAAAGGACCATGCAGAAACCA
TAGCTGTTATCATAGCTGCTGATTGCCTGACCGCAACTACATTTTGTCTAGCTTGGGAATGACTACTTGCCAC
ATGAGCTGTAATGACCGTTCAATTTCTCCACGTCATTTCCACCAACAAAAGTGATAATTGCCAAGCATTGAG
CAGCGATATCTTTGAGGACTCCGAGCCAGATTTGAGAGCTTGAGAAATTGAGGGAATTGATTCTGACAATATT
TCCCGTGCATTGTCTCCCTCGCCACAGTTAAAGCCAATAATCCAATAGCATGACAAGCCAAGGATATTTCTT
GCTGGAACCTTTTTGATACAATTCAGACACTGATGAAGCAGAGTAGCAAATTTCTTTTCCACGAACTGATGTT
GCAAATTGTTGCCAAGATTTTCAATAATCGATGCAAGCGCTTTCTCTCTCGTGAACCCCTCTTCTCGTATAAAG
CATCAAGAGCTTGGTCAAGTAAAGTATCTTTGTCAAATGAAAATCTTCAATCCCTACAACAGACATTTCGATCG
GACCGCATAGTCGATGAAGAACTCACTACTATCATCATCACTATCCACCGTTGGAGAATTTTTTCGCTGAGT
TTTACGTCTTCCATTAGAAGAGATCACGGTGGCTCCTCCCTCGAATAGACGTCAATTAGAATAACAAGGGTTC
GTAAAAATCTGAGAACGAAAAAGCTTCGTAGAAAAAAGATGAACGAAATCTAAAGGAATTGAAACGAGAATC
GAGCAAGACTTGGATGAATTGAAGGAAAATATCGCCATCAAAATTCTGGAATATAGGGGAAGAATGAAGGA
AAGGAAAGTTGAAAGAAGAACAAATTAGGGATTTTATAGAAATAGAAAATATAAAAAGATATAACCTATTA
GGTTCACGACCTTTAAACGCTCAACGGTGCCAAAAGC

>trans_s_1743 DQ787059|Glycine max bZIP transcription factor bZIP131 (bZIP131) mRNA, complete cds

TTTGTGTTGTTGATTTTCTATTTTCCAACATCGATCTTCACAAGTTTTTCGCATTCTCAACTCAAATCTTTCTCT
TTCGCCAACACATTTTCATATCACAACAAACCAAAATCAGGAACATAATTAATTTCTAATTTCTCTCTTAATTTCTT
TTAATTATATATAAATTTGTATCCATTCCATTTTCATTACATTTCCGGTGTTGTTGATTTCGATATTAATCTCTTGATC
GTTGCAACTTCGACCACCCCCACCACGGCGATCACAATTCCACTGCAAAGATTATGCTGATGGACCCTAATTTTC
TCGTCCGGCGAAGCCACCCCATCCGGTGGCCATGGACATCGAACATATGCCGGAATACTCATCGTGCTTCCC
ACCACCGCCGCTCCCACTCCGATACTTCCTTCCGCTTCCCAAACCTTGATGAACTTCTCTTCTTCGACCCTTCCGA
GCTCGACCTCTCCATGCTCTCTTCCCCTTCTTCTCCCCCTACTGCCGCCACTGTCATGGCCGTTGATTCCTCTGAT
GCCAAGTTTTCTGATGACGCCGTTCCGCCCTAAGCCCGAGCCGATTGCATCTGGACCTTTCGGTGGTCACTTACG
GAGCTTGCTCTATGGACTCTGATTTCTTCAAGAATTTGGACCTTGGTGGTGATACTGGGGAAATCGATTCTTTGG
GGAAGAAGACTCCGGTGAGTGAACAACGGCCAGTTCGTCATCGACATAGCTTATCCATGGATGGTTCGTCGTC
GTCGTTTGAGGCTGATTCAGCCCTAGTGATTGATGGAGTGAAGAAGGCAATGGACCCGGAGAGACTTGCGGA
GCTTGCTCTAATTGACCCGAAAAGAGCTAAAAGGATTCTTGCGAACAGACTATCTGCGGCTCGTTCGAAAGAG
AGGAAGATACAATACGAATGAACTGGAGAGAGAGGTTCCAGACTCTGCAGTCCGAAGCTACCACTCTGTCT
GCGCAGGTGACGATTCTACAGAGAGA

>trans_s_1744 NM_117035|Arabidopsis thaliana oxidoreductase family protein (AT4G09670) mRNA, complete cds

ATTATCTCCATCATTCTTTCCACTTTCCACCAATCTCCAAAGCTCCGGGCATGGCCGACACAATCATCCGTTTCG
GGATCATCGGCGCCGCCGACATTGCTCGGAAAGTTTCTCGAGCTATTGCCCTTGCTCCCAACGCCACTCTTTCC
GCAATAGGCAGTCGTTCACTGGAAAAGGCCTCAAATTTGCATCCGATAATGGCTTTAGTCCTCATGTCAAAA
TCTATGGTTCTTACGAAGCTGTACTCGATGACCCCGAAATCGACGCCGTCTATGTCCCTCTTCCGACTAGTCTTC
ACTTGCGCTGGGCGGTTCTCGCCGCCGAGAAGAAGAAGCACTTGCTCCTCGAGAAGCCTGTGGCTCTTAACGT
AGCTGAGTTTGACAAGATTCTCGAAGCCTGTGAGGCCAATGGAGTTCAGTTCATGGATGGTACCATGTGGAT
GCACAACCCTCGTACGGCCAAGATGAAGGAATTTCTTTTGATGCTGACAAATTTGGCCAGCTCAAAGCGGTA
AACAGTGTTTTCTTTTTGCTGCTGATGCTGACTTCTTAGCTAATGATATTGCGGTGAAACCCGACCTTGATGGT
CTTGGTGCTTTAGGTGATGCCGGATGGTACTGTATTGTTCAATCCTTTTTGCCGCCAACTACGAAGTGCCTAA
AAGAGTGATTGCCTTGCTAATCCTGTTTTGAACGAATTGGGCGTGATTTATCATGTGGATGCTCCCTTCTTT
GGGAGGATGGAAAAGTAGCAACCTTCCATTGCTCTTCTTGTCAAATTTGACCATGGATGTTACTGCCATAGG
AACAAATGGGACATTACATCTTAATGATTTTCATACCTTACGTAGAGAAAGAGGCCTATTTCTCCACCTNGT
TCAAATCCGGGGTCACTGAACTCGTGACTGGTCGGCAACCTCTACCAAGCAAACATATCGTTCCTACTGATCTT
CCTCAAGAGGCTCACATGGTGAGAGAAATTT

>trans_s_1745 DQ887085|Arachis hypogaea ubiquitin carrier-like protein mRNA, complete cds

GCGATTGGCAAAGTTCTTCGGTCTCTAACATTGTGAAATTCACAAAAAAATCTGAGGGTAAAGAGACCGAC
GAACAACCACCGGTTTCTGGGGTCGCCATCGATCTGATTTCTAAGCTTATTTCCCTTTCCACAGCTCTTCCGGC
CGATCCTGATCTTCATTTATTTGTCGATCGAAACCTTTTGAGTTCTCAAGATCATGGCTTCCAAGCGTATCTT
AAAGGAACTTAAGGATTTACAGAAGGATCCACCCACATCTTGCAGTGCTGGCCCCGTAGCTGAAGATATGTTT
CATTGGCAAGCGACCATATGGGACCATCTGATAGTCCTTATTCAGGAGGTGTTTTCTTGTCATATTCATTTT
CCTCCAGATTATCTTTCAAACCTCCCAAGGTTGCTTTAGGACCAAAGTGTTCACCCCAATATCAATAGCAAT
GGAAGCATTTGTCTTGACATCCTGAAAGAACAGTGGAGCCCCGCGCTTACAATTTCTAAGGTACTGCTCTCCAT
ATGCTCATTGCTGACTGATCCAAACCCAGACGACCTCTTGTAACAGAGATCGCACACATGTACAAGACCGAC
CGAGCCAAGTATGAAGCGAGTGCACGGAGCTGGACTCAGAAATATGCAATGGGTTGAGACGTTGTTGTAGCT

>trans_s_1746 DQ250022|*Petunia integrifolia* subsp. *inflata* S-RNase-binding protein (SBP1) mRNA, complete cds

>trans_s_1747 NM_001061570|Oryza sativa Japonica Group Os05g0255600 (Os05g0255600)
mRNA, complete cds

>trans_s_1748 NM_180754|Arabidopsis thaliana TOPP8; protein serine/threonine phosphatase (TOPP8) mRNA, complete cds

ATCTTCAGAGCTTGATTCTCTCAAATTTGTTTGTAATATCTTTCTCATGTGGGTTTTCTTCTTCTCCTCCC
GAGATTTTGTGAATCGGAATCATTACGTGAATTGTTGCTTGGCTTCTTTGTGTTGACCTGTTTCTGAAACTCT

TTCTGTTCTTCCATCTGAAAACCTGTTGGAGGGTTTTTTTTGTTCTTCTGTTCTTGTGTTTTGTTGTGTGAAT
TCATTGTATCGACTTTGATTTGGTTCTCTGTCTCTTTGAAGAGTTGGGTGTTTACTTTTCTCCAATTTGGAAGAT
ACCTTTTGACCTCTCTCAACTGAAGCAGCCAAGTTGATGTTCCCTCCTTTGAAGAGCCATTAGGGCGAGCT
CTACGGCAGAGTAGTTGATATTCTGGTGTGAATCTTGGAGGAACTGTTTAAAAGAAGAAGAATTAGAGGAG
GATGATGACAATGGAAGGGATTGAAAAAGGGGTTTTGGATGATATAATTAGAAGGCTGCTGGAAGGGAGAG
GAGGGAAACAGGTTCACTTTTCAAGAGGCTGAAATCCGCCATCTCTGTGTTAACGCCAAGCACATTTTCTCTCT
CAGCCAAATCTACTCCGCCTTAGTGCTCCTATACGCATCTGTGGTGATATACACGGTCAATACAAAGATCTTCT
TAGACTATTTGAATATGGCGGGTACCCTCCTTCTGCAAATTATCTTTCTTGGTGATTATGTGACCGGGGGA
AGCAAAGTTTGAAAAAATATGTTTACTTTTGGCATATAAAATAAAACACCCGAATAAAGTATTTCTTTGAGA
GGGAACCACGAAGATGCAAAGATCAACCGAATCTATGTTTCTATGATGAATGTAAAGGAGGTTAACGTT
AGGCCTTGAAAAATATTTACTGATTGTTTCAACTGCATGCCTGTGGCTGGACTTATTGATGATAAAATCCTTTG
TATGCATGGAGGACTGTCTCTGATT

>trans_s_1749 HM122708|Malus x domestica TLP domain class transcription factor (TLP7) mRNA,
complete cds

AGCTCGACAAAATAGCCGGTCAAGCCGTAGATTTCTGCTCTAAGCAAGTCTCTCCTAGGGTTCCTGCATGTAAC
ACAGCGTAGGTACAATATCGTATGAACTTAATGTTCTTCTGACTAGAGGTCCTCGAAGGATGCAGTGCATCAT
GCAAACGATTCCAGTATCTTCGATTCAAGGAGGGAGGCACTGCCCCAACACCTACTTCATTCACATACTCTATTG
ATGACCACCTTTCTTCCATGTCCGATTCTATGAGAAAGGATTCAACAACCAAGGACTTTGGCTCAAAAATCCAA
TCAGAACCAGCAGTTCGGGCCTCGGATGAATCCTTGGTACTTAAAAACAAGGCACCGAGATGGCACGAGCAG
CTGCAGTGCTGGTGCCTAAATTTCAAGGGCGAGTGACTGTTGCATCCGTTAAGAACTTTCAACTCGTTGCAG
CTGTTGATCAATCTCACAATGTTTCAGTTGAAGAGCAAGAGAAGGTAATTCTCCAGTTCGAAAAATTGGAAA
AGACATCTTACCATGGATTATCATTATCCCCTCTCTGCATTCCAAGCCTTTGCTATCTGCTTGAGCAGCTTCGA
CACGAAGCCAGCCTGTGAATGACATCCTTTCATGAATAGCGGTCATCATCAGAAGGTGCGAAAAATGCTTGAGC
TTGTTGGGAAGAACTGCACAAGCAGCATTATTGACAGCTGAGAAGACGGCTATGCGATTGATATTGTCACTGA
GAGGTTATTAATCTGAGGTTTGACTTGTATTTGTATTATCTCCTTGGCTCTTGACTTGTATTTGTATCATCTCC
TTGGCTCTAATGGCGCATACATTGTTATAAATGTCAATCCGCGTTGTATTATCTATATGTAGATTTCTTCGTGTT
TACTTCCTCGTACGATGAGACATTCTGATTGGAAATGGTTTAAACAACACTATTGTATGGTGGATTGTCCCCCTT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1750 AY110285|Zea mays CL47158_1 mRNA sequence

CTCTTCCCTTTCTTTATTTACCAACTTCACCACAGAACAAACAACAGGAGCTTTGATTCTGAAGGAAG
GTCGGAGAGTGATAGACACTGACAAATAATTTCAAGGGACCTGCTCTTTGATCTTCTTCTGGAATCGAATTT
TCCTTGGCTTTTCTTTCCCTCCAAATCCTCTTCACTTGGGTGTTTTTCATTCATGGGAACAGTGTTGTCTTGG
ATGCTACACGAAGCCGGAATAAAAACTCATCTGAATGAACCATCAAAAGGTCAACAAATTCAATGTCATGGA
GTAAGGAAACCCAGCCTATCAGAGGATTTCTGGACTACTAGTACATTTGATGTGGAGAATAGTGCAGGTCAAT
CACAAGGAAGTATGTCATCATTGAGTACAATCAACCATATGCACGATCCACACGGTAGCTCGGGCAATGTACC
CAACCTTCAGAGTTTCTAAATCATGGTCTTCTTCTGTGGAATCAAACCTAGGCAACGCTGGACAGGGAATAAA
CAATCCGAAAAGCGAGACCCGAGTTTCAAGAACCAAGTTAGATTGGAATGTAACCTATGAAAGTTTACTAG
GGAGCAACAAGCCATTTCTGTAACCTATTCCACTCGGCGAAATGGTAGATTTTCTTGTGGATGTATGGGAACA
AGAAGGGTTGTATGATTGATTAATTTGAAGAGTACACAAGGCTTGATTGGAAGAAGTTGAATCATAGTCTCA
CTGTTTTTTTTTCCAAACCACATTGAAATCTGCCTTGTATTTGCTGATCAAACGCATTCAAATTAACATTTTCCCTG
CTGCCTGCCTATTTTGGTGCTTGGTTTGTGTTTTTGGTTTTTCTCTTAATGCCTTTGGTTTGGT

AATTACTGTAGAGTTTCATATCTTTACTCTGTTGTAGAAAATTCAGCTGTGATGGAAATTACTATTTTTGGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1751 FJ976682|Nicotiana tabacum cultivar petit havana SR1 SM10-2 (DCN1-2) mRNA,
complete cds

ACAGAGAGAGAGATAGAGCTTCCAGGAACAACCCTAGAATTCTCTCTCGACGTTCTCCGGAATTGGAGAAGC
CATTCTCGCCCTTCAGTTTACCCTCCGATTACCATTTCTCTGCGCTAAGCTTGTACCCACCACCTCCATAATGCAT
AAATTAAGTAGAGGACATCGAGATAAACTCCATCAATTTATGGCTATAACTGGTACAAGTGAAAAGGTTGCTC
ATCAGGCCCTTGAAGGCTAGCGATTGGCATCTCGAAGGAGCTTTTGATGTGTTTTATAGTCAACCCCAAATTAA
AGCATTACCCGACTCTAGACATTTGGAAGAGCTCTATAACAGATATAAAGACTCATATGTTGATATGATATTGG
CTGATGGTATCTCACTGCTCTGCGATGACCTTCAGGTGGATCCTCAAGATATTGTTATGTTGGTTGTTTCTTGG
CATATGAAGGCCAAACACAATGTGTGAGTTTTCAAACAGGAGTTTATAGGTGGATTACAAGCACTAGGGATA
GATTCTCTGGAGAGGTTCCGAGAAAGGATTCCATATATGCGTTCTGAGTTGAAAGATGACCAAAAGTTCCGTG
AGATTTACAACCTTCGATTTGGTTGGGCAAAAGAAAAGGGGCAAAAATCTTTAGCATTGGACACCGCAATTGG
AATGTGGCAGTTACTATTTGCTGAAAAGCAGTGGCTCCTGGTTGACCACTGGTGTGAGTTCTTGCAGGCTCGG
CATAATAAAGCTATTTCTAGGGACACATGGTCTCACTTCTGGAGTTTGCAAGGACCGTGGAGCCTACACTAT
CAAATTATGATGCCGAAGGTGCTTGGCCATACCTTATCGATGAATTTGTTGAATACCTGAATGAGAATGGCAT
AATCCAGAGTAGTAGTCAGTCAAATGATTCGAGTCAAATAAGGTGATATGCTACTGCAACTGGTTTGGGATTT
ATTCATATTTATGTTGGTGTGATTTGAATACCCCTCTC

>trans_s_1752 NM_001185557|Oryza sativa Japonica Group Os01g0652800 (Os01g0652800)
mRNA, complete cds

ATCCAATAACGTTTCTCACAAAACCTCTCTATCTCTCTTTTCTTCTCTTTCTTTCTGTCTTTCCATTATGAACTC
CACAGCAATGAAGTTCCATCAGGGAAAAACTACACCCTTTACAAAACATTAGCCATAGTTTTTAGTTTAGTGAT
TCTGACAGTGATTCTCTGTTATACAATCTCATAACTATTACTCTGTTTTCTATTCTCAACAATTCACCAAAAATCT
CCATCAAGTCCATACTCATCAAGCAGTAGTGGAATGGAAACAATGGAGTTTTTGAGAAGTTGTCAAATTATG
GGAAAGAAGAAGAAGAAGCAGAATGTGATATGTTCTGAGGAGAATGGATACCAAATCCAAATGCTCCATATT
ATTCAAGCTCATCATGTTGGGCAATTCATGAACATCAAACTGTATGAAATATGGAAGACCAGATGGGGGTTT
TATGCAATGGAGATGGAAGCCAGATGGTTGTGAACCTCCAATCTTTAATCCTTCTCAGTTTCTTGAGATTATGA
GAGATAAATCTTTGGCTTTTGTGGTGACTCTGTTGGAAGAAACCAAATGCAATCTTTGATATGCCTTCTTTCA
AGGGTGGAATATCCAGTAGACGAGTCATACACGGCAGACGAGAATTTCAAGAGATGGAAATACAAAACCTAC
AACTTCACAATGGCCAGTTTCTGGACACCACATCTAATCAAAGCCAATATGGGAGATGCCAACGGTCCTACTA
AAACCGGTCTCTTCAACCTCTACTTAGACGAACATGACCAAGAATGGACAACTCAAATCGACGAATTCGACTA
CATCATCATCTCTGCTGGCCATTGGTTCTTCCGTCCGATGGTTTTCTACGAAAACACCGCATTGTTGGTTGCCA
TTACTGCCTCCTCCCAAACGTCACTGATCTTGAATGTACTATGGTTACCGAAAATCCTTCCGAACAGTATTCAA
AACCATAAACAGGTTAAAGAATTTCCAG

>trans_s_1753 NM_001069690|Oryza sativa Japonica Group Os09g0412200 (Os09g0412200)
mRNA, complete cds

GTCAAGTGCTCTGGCAGGGAAGGGTCCTTAATTCTCAGTTCACAGATGAAGAGTTGCGGAGTCAGGGTCGTT
GCCCTTTGACCCCTGAAGAGATTGTTTGTCTAATGGCTGCCTTGGGTTTTGACAACAATACCCGTCTATATTG
GCTTCCCAAGGTATATGGTGGGGAAGCTAGGATTTGCACTTTCGGGAGTCTTTTCCATTAATGGAGGACA
AGAAGAGTCTCACTTCTGGAAGTGAAGTAGCCCAAATCAAAGGAAAGGCCTCTTTGCTCGCTGCGGTTGACTA
CTACGTAAGCATGCATAGTGACATTTTTATCTCAGCTTCTCCTAGAAATATGCATAATGCAATGGTGGGGCATC

GCACGTACGAGAACTTGAAGACCATAAGACCAAACATGGCATTATTGGGACAGCTTTTCATGAACAAAAGCAT
CATTTGGTCAGACTTTTCAGCAGGCCACTGTAGAAGGCCACAAAAACAGACAAGGACAAATAAGGTTGAGAAA
GCCAAAGCAATCAATATACACATATCCAGCTCCTGATTGTGTTTGCCACGCTTGAAATGCAGTTCCTATTGGAT
ACCACTTTCTGTACGAAACAGACCACGCTTAATGGTTCTGCAACTATCGTTTGTGCGGCAGTAATCTGTTGAAT
AAAAATTAGATCTTCCCAATTGGTGGTCTGAATCATATGATGTTTTATGTAGAAAACAGTGCGATGTGAGGAA
GAACTTTCGTAATTTGTAAAGATGTGAAAGGTCTACTGCGAAGGCTTATATTGTCTTCTGGGACCGATTAGAT
TGATGCAGTTATGTAGTGTGCTAATATCCTCGGATTATTGACGAATTATCTTGATGTAACGAGTTATGTAAAGA
ATTGTTTGTAAGAAATACATCATTTTTGATGTAGTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1754 XM_002525997|Ricinus communis Phospholipase A22, mRNA

AGGGCTTGCGAATTGGGATAATCTTGAAAGGAACCACTAATTTTCAATCTTCACGGAACCGAATTATCTCGGG
AAATTTTTGTTCTTCAATTGTCTCTCCGGTATCCTCAATTGGTAGCAAATATTCTCTATCTACTTGACAGATTCC
CTCAAGTCTCTTCCCACTTTCTGGATTCTCTGTTAATTTGGCAATGAGTTCTTGAGATTTTAGCTATGAACTTG
GAATTTCTTCGTAATATTTCTGGTTTAGGGCTCAAAGAAGCAATGATTTGGGTCCAATTCTTAAACCTTCTAGC
GCCATTGTGGACCAAGGGCATCAAATACTTGCTTTAACATCAGGATATGGGGATTTTCTCTACTTTCAATTTCTT
CCTTGGGAAACTAATGCTAATGCCAATGCCGGGAGGATATCATTTTAGCAAAAACAATAAATAGAACT
TGAAAAGGCAACCCAAGCGTGGTAGAGCAATCGAGAACGGTGTGGAGAAACGTCATTACGGTTCAAACCAT
ATGTGTGTAAAGTTCATGGCATAACGGGTGTAAGGGCTTTTCTTCTCAGCTGTTTCCACGTTATGGACATTAC
TGTGGTCCAAATTGGTCTAGTGGGAAAGACAACGGGTCTCTCGTTTGGGATAAACGACCAATTGATTGGCTG
GATTTCTGTTGTTATTGCCACGATATTGGTTATGATACTCATAATCAAGGAGAGTTGTTAAAGGCTGATTTGGC
ATTTCTTGAGTGCTTAGAAAGGCCTAATATGGTCACAAAAGGAGATGCTCGTGTTGCTACTCTTACCGAACCA
TGTGTATCACAGGTCTGAAGAATTGCTAATTCCTTATAGAAGGCAACTATTCATCTTCCGTCTTTCCCTTACC
AACCTGCATTACGTTTGGATGGCTTAGCAATGTGAAATGGTTTGGTTGGACTGGCAAGAGATGAGCAAAAG
CATCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1755 AY775040|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 140 (ACRE140)
mRNA, partial cds

ATCACAAAACAATAAAAGAAAATGTTATTCAAAGTTGATGAAGTTGTTTGGGAACTTTCTGCTACCGCCTTATT
ATTCTAACTCCACTTGTTTCGACGATCTTGTTCCAATTTCTCTTCCAGAAAATAGAATTTCCCGACTCACAAATT
CTCCCGTTTCTTTCGATGGAAGTTACAATTCTAAGGCAGAGTTGATTTTATAAATTACAGATTGATTTTCAAAT
CTTTGTCTGGTTGATCGTTCTTCTGTGCGAAGACGATTCCGGCCACTGGCCAGAATTCGTAGCTTTCGTGCTT
CGAAGCCCTACGATGAAATCTTTCGACAAAACGCCGATAGGAACTCGTCTTTTTCTGAACCTGTCAGCTCAAT
CCACAGTCCTCTTATTCCGATGGCTCTCCTTCTTCTCCGGTAACGATAATTCAAATCGGGGCATAAGAAAC
AATTTATCAGGAAACGAGGTGGATTTGTATTTCCGGTATACGAGCATGTTAAGTTGGGGCCTAAATTCTTGGT
AACTGCTAAAGGTAAATTGAGATTAGGAGCAAAAATTATACGACAAGGTGGCAGAAAGAACATATTCAAACA
GGTTTTTGAATTGTAGAAGGAGAGCAGCTTTTGAAGGCCTCTCAATGCTACTTATCAACAAGTGCAGGGCCC
ATTGCTGGGCTTCTTTTCATATCTACAGAGAAGGTTGCTTTCTGCAGTGAGCAAAGTATCACTTTCTCTACCA
ACTGGAGAATTGCTCAAAACACCTTATAAGGTTTTGATACCATTAAGAAGATCAGAAAAGCCAATCAAAGTG
AGAATGTCAATGATCCAACAAAAAGTACATCGAAGTGGTGACGGATGACAACCTTTGATTCTGGTTTATGGG
ATTTTTGAGATATGAAAAGGCATTTACAAATCTTCAGAAGGCCATTTCCATGGCTAACAGATCAATGCAACAGT
CCACAGATATATCATGAAACTAACCAATT

>trans_s_1756 NM_120880|Arabidopsis thaliana dentin sialophosphoprotein-related (AT5G07980)
mRNA, complete cds

CAATGAAGAACTTCCCAGATCAGTTCAGTCTGCTGCATCTTCATGGTTTAAAGTTCAAAAATGGGCAGCTGCACG
CAAAACATCCTGGTGGACACTTCTCTCTTGAACCCCTTCAGATAATTTATGCAAACAGTCATCTCTGGGTGGA
ATAGATTCTGCAGATGTTAATCTGAGTGGTAAAGTTTGGTCAACTGCTGCTACAACCACGGTGGCAACTGACT
TAACAGTCCCTTATGGATTGCCTTCTACTGTCACTGCTGAACTGGGGTCATTTTGAGACCTAAAAAGCGTAA
CTTGACTCATCTGAGCTTCAACCATGGCATCTAGAAGTCCAAGGTTCTCAAAGAATTGTGAATATCAGAGTGG
CAGAACAAGACTGGGCCCCAAACACAAACCGGCTGACAGAAAAAATGGTAAATGAAGTTGAGATGATTGA
AGATGTGATGCTTCGATCGAAGAGAAAGCTTATTGTGACAACACAGCTGTTGCAGCAGTTAGTTTGTCTGCA
CCATCATCTATCCTCTCAGCAGATGCCTTCTTCTCTATGATAGCGTGATATACTTTATCTTAAGAGCGTCATTA
GGGGATACGTGCAGCCTGATATGTGGACAAACAATGATTTTCGTGTTTCCACTCTTGATAACAGAAATGTAA
TTTCCGAGGATACTGTTAAATGTACTGATGATAAGTACATAGAGAAGACTGTGGAAAGATTCTACGGGAGAG
CTGGGAGACTGGAAAATGACCTGCAAAGATTGGACAGGACAGCTTCCATTGTGGACTTGATGGTTGAATGTC
AAGATTTGGAACGATTTTCTGTGATTAATCGTTTTGCAAAGTTTCACATACGTCAAGCAGAACTCTCTGGAAAT
GCTTCTTCAAATGGATTAGTTACATTGGCACCAAAATCATGTCCCCAAAGATATGTCACTGTACACCCCATTCTT
AATCATCTTCCAGAGGGTGTACAATGCCTTCACT

>trans_s_1757 EU557675|Solanum lycopersicum tousled-like protein (tousled) mRNA, complete
cds

ACCTGAAAAAGAAGCCAGGATTATCATAGTTCAGATATTTTCATGGCCTTGTTTACTTGAACAAAATTGCACACA
AAAAATTATCCATTATGACCTGAAACCTGGTAACGTTTTATTTGACGAACTAGGTGTTGCAAAAGTGACAGATT
TTGGTCTCAGTAAAATAGTTGAGGATGATGTTGGATCACAGGGTATGGAACCTACTTCGCAGGGCGCTGGAA
CATATTGGTATTTACCTCCGGAATGCTTTGAGCTCAGCAAGACTCCTTAATATCATCCAAGGTTGATGTCTGG
TCAGCTGGTGTACTACTATATCAAATGCTCTTTGGCAGACGTCCATTTGGACATGATCAAACGCAAGAAAGAA
TACTTCGTGAAGACACGATTATAAAAGCTCGTAAAGTTGATTTCCCTACTCGACCAGCTGTCTCAAACGAGGC
GAAGGATTTTATACGCCGTTGTTTGACGTATAACCAAGCTGATAGACCCGATGTTTTGACAATTGCTCAAGATT
CATACCTAACCTACTTGAAGAAGTGATCACTTGAGATCCACATTACAGGAATTTATAAGAAGCTCTATCTTTCT
ACAGCAAGGCAAAGAAAGTATAGTAACTCATGGAACTGTATACAAAAAAGGGCTGGTCTGCCACTCTTA
AGGTTGATCAGAGGTGTGCCCCTTTTGACTTACTTCAATTGTCCTATCTTCAAATAATTGAAGGTTTGGCAAAG
TTTGTAGTTTGGAAAGTTGCCGTTTGGGTGAAGGGCACAGTGTCTACAATCCTTGTTTAGTGTTCTGAAAATG
GGCTCTAGAGGCCCTAAAATGGGGGGAAATGAGGGAAGTTTTGCTTTCTTTGTTTGGCCAGTTATTTTTTT
TCCCTTATGGAAAATGATTGATTTTGATGTATTAATATTTTCTTCACTTCATATGATATTGGCAATCTCCTTTGC
CAATCTTTAGATAAACCGCATTTTCTGCAA

>trans_s_1758 NM_119182|Arabidopsis thaliana ATCNGC17; calmodulin binding / cyclic nucleotide
binding / ion channel (ATCNGC17) mRNA, complete cds

ACGTCTGCATAGTAAAAAATTGCAGCACACATTCCGCTTCTACTCTCATCATTGGAGAACATGGGCAGCTTGCT
TTATTACAGGCTGCTTGGCGTCGCCATAAGAAAAGGATGATGGCAAAAGACCTCTTAATGAAGGAATCATTAC
ATTATCAGAACAAAGTGGCTGATGAAACTACCCAAGGAGAGGAACAATTCTCTGTTGTTCAAATCCTTCTCAGT
CTAAAATGTATCTGGATGTAACCTTGCTGGCTTCAAGGTTTGCTGCAAACACGAGGAGAGGCGCCAGAGAA
TGAAAGATGACTTGCCAAAATTACAAAAGCCTGATGAACCCGACTTTTCCATTGAGCCAGATAGATAACATTA
AGCAGTAGTCTCAAACACGTCTCTGGGAAGGGTGAATCCATTTAGATGAGCTTCTTTTTTCTGTCTATCTGG
TATTTAGATCTTACAGGGGCTACTGCCGTTTCCCTCTTGATGTATAGTTTATAAATACTTGCTTTAATCCAA
CCCTTAGAAAATCCAGGGACGCGACCCCGTTTTGTGTTCAACTCTTATAAACAGTAACAGAATTTGTTGGATG
GTTAAACGTGCTGCTGCCAATGTAGCTGCAAATTATACTTACAAGACAGTACACAGTTCCTCATTTAGATTTT
GATTGAATGCAATATCTGGATTTTCACTGGACGGTGCTGAAAGAGCTATGCTGGTATGGGGCTGCTGCTGG

>trans_s_1759 EU916962|Beta vulgaris ELF4-like protein mRNA, complete cds

>trans_s_1760_BT006553|Arabidopsis thaliana At4g39880 gene, complete cds

>trans_s_1761 NM_112479|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein (AT3G16090) mRNA, complete cds

AAACTAGTATGTGGACATCTTTTTCATGTCCATTGTCTCCGATCTTGGTTGGAGCGACAACATACTTGTCCCCT
TGTAGAGCCCTTGTTGTACCACCCGAAGGTTCAAGTACAACAAGCGGTCATCATGGAGTGCAGTCTGATGCTA
ACCAACAAGGAACAGGAACCACAAGTTCATCTGCACAAGGTACAAGTGGCACAGGCGTTACTAACGCTAATTT
AAGTCATCATCAGGCTAGAGTTCGAGCTGCTGCCGCTGCTGCTTCAATATATGAGAAATCGTATGTTTATCCTT
GTGCGAGCACATTAGTATGGTCTCTTGGATATGCAGTAGTTCCTCAAGTTGAAAGACCTTTGTTTGACTCTAAC

AATACAGAAACAAATGGAGAGCAATCTCCCAATGGACATCCACAGTACTTTTCATTTCTGGCGGCCCTTCAAA
CCTGTCCTTCACTCAATTTCCCCAAAATATCTTTGTTCTTTTCAGCCACGAGAGGGCACTGGAAACAATATAGA
GGAATTGGGGAGTAGTCTAAATGTATCAGGCTCACAGCTTGAAGCTCAAGAAAAATTTCTTCAACAACAGATT
GAGTTCCTTCAGAATCAACTGCAACTTCTCCGTAAACCAAAAGTTGAGGAAAGCTCAAGAGGAGCTAGCGAG
ACAGATAAGAAAGGGAAAAGTTTAGCTACCTCACCATCGCCATCGGCGTCATTGTCTTACCAGATTCTCATCC
ACCTGGAGAAAACGAAAGGGAGGTAAGATAGAAAAAATGTGCATAATATTATAGTGAATAATACGAGACTG
CAGATTGACACAATCACATAGATATGTGTCTATTGTATACGGAAGATGTACTTGTTAACTTTTTAGAAAGCAGT
CTTCTCCCTTTGCCATGTTGGTGGTTGGTTGGGTTGCGCTGTAAATGCTGAATTTGGTCTCTTTTAAACAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1762 NM_122221|Arabidopsis thaliana HUA2 (ENHANCER OF AG-4 2); transcription factor (HUA2) mRNA, complete cds

AAAGACAGATGCTTTCTGGCCACCTCAAAACCCACCAACTCATTTCTTATGCTAAGCCTCCGGTTCAACAG
CATCCTCCTCATCCATACCATCATTCATATTCTTCGCCATCCCTTATGGATGGCCGGAGGCCATTTTTAGGTGAT
GAACAGTGGAGAATGCCTTCAAGTGAATTCAAACTGAAAATCGTCAAGGTGTATGGATGAATGGGGGGAG
AAATCCATCACATCCAGGTCCACCATTACAGCCAGGAAGCCTATTTTCAACCACCTTTGAACGACCACCAAATA
ATATTGGTTTTTCAGCGTCTGCCTCCAATAGTATTCTTCTGGAGCTCCAATTTCTGGTCATGGCATTCTCAAA
TGTTGCCGTCTAGACAAGACATTTCAACTCTTAATTGTTGGCGGCCTACATAAGAGGTGTTATTTCTTTCCAATT
GCTGAATATGGAATTGGAATACAAAATTGATTTGTACTGTAAAGAAAGATCAGCTTTGTGCATAAATTCTGTA
CAACTTGAAGGCGCTGTCAACACTTTTGGAGGCTCTCGGCTGAACTCTGTAAATAGTAGTTATCCTGACAACT
TGATCCAGGAACATTTGCTCCCAAGTGTAGGCCCATGTTTCTGACCTGGTTTTGATAGAGTATTAAGATAGAG
AAAGATGAACAATTTTTGAGATTCTAGACTTTGTTTACTTTTAAACCGGAAAAGAGAAGAGAGTCGCATTAT
ATCCATGGAGATAGCCTCGCAGCTGCAAAGTTGAGATTGACTATATTTAACATGGAATTATTGTGCCAAACAC
ACGTGGCTGATCCCTTATTATGCAGACTCCCATTGTAAAGGTAGTCCCCAGATAACTCAAAGGAAAAAAAAAA
AACCAACTTTTTCAGATTTTATGTAATACCAATACTTTCATTACATTGTACATCATCATATCATTCCCTTTTCACGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1763 AF255679|Arabidopsis thaliana eIF3e mRNA, complete cds

AGGGTTTTTATCCTCCTTCTTCTCAAAGCACTCTTCTCTCTGTATCCACAGTATTCAAGCACAGGCTATACTACA
ATGGCGGATTACGATCTAACTCCACGAATCGCGCCGAATCTAGACCGTCATCTTGTCTTCCCTCTCCTTGAGTT
CCTTCAAGAGAGACAGCTTTACCCCGATGAGCAGATCCTCAAGGCCAAGATCGAGCTTCTAAATAAGACAAAC
ATGGTTGATTACGCCATGGACATCCACAAGTCACTCTACCACACTGAAGATGTTCTCAAGATATGGTGGACA
GAAGGGCGGAAGTGGTGGCGAGGCTAAAGGCTTTGGAGGAGTCTGCAGCACCCTTGTGTCTTTTTTGCAGA
ATCCGGCTGCGGTTTCAAGAACTGAGGGCTGATAAGCAGTACAATCTTCAGATGCTTAATGATCGTTATCAGAT
TGGTCCAGATCAAATAGAAGCATTGTATCAATATGCCAAATTTAGTTTGAGTGTGGGAACTACTCTGGTGCT
GCTGACTATCTCTATCAGTACAGAGCCTTATGCACAAACAGTGAAAGGAGCCTCAGTGCTCTTTGGGGAAAAT
TGGCAGCTGAAGTATTAATGCAGAACTGGGATATTGCTGTTGAAGAGCTTAATCGTTTGAAGGAAATTATTGA
CTCTAAGAATTTTTCGTCACCTATGAATCAAGTGCAAAGCAGAATATGGTTGATGCATTGGAGTCTCTTCATCT
TTTTCAATCACGACAATGGGAGAACGCAGATCATTGATCTATTTAATCAAGATAAGTATTTAAATGCCATTCAA
ACCAATGCACCACATCTTTTACGCTATTTGGCTACTGCCTTCATTGTGAATAAAAGGCGGAGGCCACAATTCAA
AGATTTTATCAAGGGTATTTCAGCAAGAACAAAATTCCTATAAGGATCCCATCACAGAGTTTTTGAAGTTGTGTCT
ATGTCAATTATGGATTTTGACGGGGCACAAA

>trans_s_1764 AY116944|Arabidopsis thaliana At1g35680/F15O4_7 mRNA, complete cds

ATGGCTAAAACAAACGCGCACACACACACAACACAAGACCTTCAGCAGGTCTCTCTAATGGCGTCTCTTACT
CTTTCCCTCTGCGCCAATTTCTCTTCAATGCCGACTCTCCACCAACCATAGTCTACCTTTATCCACCCCGTTTC
CCTCTTCTAGTTCCAACCATCATTTCCCCCTTTCCACTTCATCATCTTCCCTCAAGCTCTCTTCTCCCGCTCTGCA
TTCTCCTCCTCCTCAACTCCTCCGACTCTGAAACCGCCGTAATCGACTCTGACCCTGACGCTTCTCAAGCCCTT
GAAATCCCCTCCCAACAGACCCCCAACC GCGAGGAAATCTTTGCGGTTGTTATGATTGGATCCCGCCAATATAT
AGTCTTTCCAGGGCGTTATATTCATACCCAGAGGCTGAAAGGGGCTAACGTCAATGATAAGATAACTCTGAAC
AAGGTTTTGCTCGTGGAACAAAACTCAGACATACATTGGAAAACCAAGTAGTTACAAATGCCGCCGTTTCATG
CTGTTGTTGAGGAGCAGGGATTAGATGACAAGGTAATTGTCTTCAAGTACAAGAAAAAGAAAACTACCGAC
GAAACATTGGGCACCGTCAGCCCAATACGCGAATTAGGATAACTGAAATCTCTGGATATCAAGACTACCCAGC
AACCACGCTCGAGTCGTAGGAACAAATCCGATGCTTTGAAGTTCCCTATTTCTTGCTCAAGATTCCCTTTTTT
GTATGTAAGTTCTTGATTTAAAATGTTTCAGTTGAGTTGTTTCTATCTGATAATGAATCTCAGAAGATCCTCC
GGTGACCATTATGTCAAAATTTGAAGGAAATATATTGCTAATATGGAGTCTAGGAATGTACTAATTTGTAGCT
TAATATTAAGGGTATCCAAACTTAGTGGGCATATTTGAAATATGGTAAAGAATCAATTGTCTCGAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1765 NM_001189648|Oryza sativa Japonica Group Os11g0536900 (Os11g0536900)
mRNA, complete cds

TTTCAACCGTAATCAAATCCCTGAGTTCTTCATGGCACCTGCTTGGGGACGGTGGTCCAAATTAGCCGCTTTAG
TGGCGGCGGTGGCCATTCTGAGAGAGCTAGGGAAGAGATACGGATGGGAATTTGATAGAGAAGCGGCTCTC
AAGGTGTTACCCAATGGTCTGATCGATTGGGTGTATGGGCCATGCCTGCCTATGTCGGCATCCATACCTTCAC
ACTTGCTCTCTGTTTGCTTATGCCGTCTTCTCGAAGCCACTGCTTCTTGCTTTTCGGTTTTCTCCCTGCCGTG
ATTTGCGTTTTCTCTGCCAAGGTCCTTGGGGCTTCCCTCTCCTTCTGGATCGGCAGGTTACTCTTTACGAATTCA
AGTTCAGCCATGGAGTGGGCACAGAGGAATAAATATTTCCACCTTCTTCTAGAGGAGTAGAGCAAGATGGA
TGGAAATTTGTCCTTCTTGCTCGTTTTACCGATTCCCTCATATGTTATAAATTATGCTCTTGCTGCAACCAAA
GTCGGGTTCTTTCTTGATTTTCTACTGCCAACTGTAATTGGATGCATGCCGATGATACTTCAGAACACGTCGAT
TGGCAGTCTTGCTGGTGTGTCAGTTGCTTCAGCGTCGGGATCTCATAAATCTCAGATATGGTCATACATTTTCC
CTGTACTTGGTATCGGATCAAGCATTCTAATTTCTGGAGGATTAAGAAAGTACTCTAGTGGACTCAAAATGAC
GGGAAGTTCTCCAGTGATGAAGGGAATGACAATGTTGACCCATCCAAAACCAAGGAGTTTAAGAAAATCA
ATAATCTTTAGCGACATTCAGATAAGTTTAACTTTTAGAAAATATACTTTCAATTCATGCTTTGAATGCCCTGGA
CAAATGTCCATGACATCCGAAGTTTTCTGTTCTTCTCAAGAATTATTAGATTTATGGGATATTCTCCTCATGA
TTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1766 XM_002323047|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP71AN3), mRNA

CAACATCCCACAAAAATCTCCACCAACTTCTACACCAGATTACTCAATCTCCATATGGCCAAAGCATCATTATTC
ACTTCAATCTCATCCCTTTTCTCTCATCTTTTTCTCCTTTTCTCTTCTTCTCCTAATTTCACTTAACTCTTATCCAC
CAAAAACCCAGAAATCAAGAACTTACCACCATCACCACCACAACCTCCAATAATTGGCAACCTTCACCAATTAG
GCAGCTCCACATCGCTCATTGGCATGTCTTTCAGAGAAATATGGCCATCTAATGCTCCTAAACTTGGCCAA
ACCCCTACACTCATTGTCTCTTCTTCAAACTAGCAAAAGAAGTAATGAAATCCCATGATATCATCTTCTCAAGC
AGATCCCAAAGCACAGCTGAAAAATCCTTATTTTATGGATGCCGTGATCTGGCCCTTGCTTCTATGGAGAGCA
TTGGAGACAAGCCAAAAAATTGTCTGTTTTGGAGCTTTTGAGTCCAAAAAGAGCTGAGTATTTCCAATATATTA
GAGATGAAGAAGTTGGAAAGCTCGTGAAAGGATTGGTGGTGAGTCGTCTGGTGTGATCAATCTCAACCAAC
TTCTGGTATCAACTTCAAACCATATAGTGGGGAGATGTGTTTTGGGTGAGAAATTTAAGGAAGAAAATGATG
GGTTTGGTGAAGTTACAAGGAAGGCCATGGTGCTTTTACAAGGTTTTGTGTTGGGGATGCTTTTCTTGTT
TGGATGGATTGATGTGTTGAGAGGATTCGTGGAGAACTCAAAGCTTGTTTTGAAACATTGGATAAGCTTCTT

GAGAAAGTGATTGAAGAACGTAGGGAAAAATTGAAGATGGGTGATGATAATAATGGATGTTGTGATGAAAA
GGATTTTGTGGGGATTATGCTCAAATTGCAACAACAAGATGCTCTTCATTATCATTTCACTTTGGAAGATTTC
AAGCAATTTTACTGGATATGTTGTAG

>trans_s_1767 AB022073|Brassica rapa mRNA for S-locus protein 5, partial cds

TTACTGCTCTGAGGAGTCAAGACGCATACAGTGCAGTAAATGCGGCCATTACACATATGGGTCTGCACGAAT
AGGAATAAGACAAAGGCAAGATGGTGTGAGGATTGTTGTCAATATCATCAAGCTAAGGATGGAGACGGATG
GGTCGAATATAAAGGTTCTCTAGTCTTTGATAAACCTCAGAAAATGGATATTCCACGTGCTTTTGTGCTG
AGAGCAAAATCTTGATGTGTCTGAATGGGCGATTGTCAAGGAATGGCTTGAGGCCCAATACTCATCGCCC
GAGCTTTCATGTAAACATGGTCGGTTTAGGGAAAAACACACAACGATCCAAGTCGAGTAGATTTCTTGGGAA
TTGGATGCTGAAATGATGGATGAAGACGAGGAAGAATTTGAGCTGTGGCTTCAGCAGGCTTTAGCCTCTGGT
CTCTTCTGCGAAACCTCGAAACGGAGAAAGAGCTGGAATCCATTCAAGTTGGGCCAGAAGATAGGGAGCAAA
CAATGGCCAAAAACATCATGCTAGAGCCGCAAAGACCTGGGTCTCGGCAGTATTGCTTGCTTATCCCAAGGA
GAAACGTGCATGTGCCACCTTCTCATTACAAAGGTACGAATGACAAACAATTTACTCAACCAGCTGGAAGAAT
GCCCAGACCTATCAGAATCACGAGGAAGACATAACGTGACGATAATATAGGATTCACTGGGACCGGTGGCA
GGTTTAACCCATAGCTTAGGCATATAGCCTGTGTTGCTTAGATTCTCGCACATCCTCTTAGGTATCTAAAGCAT
GAGATCCCTTGTTACTTTTTTGGCTCAATCCCAGTACCTCCAAATCTTGCTCTATGTTAATTGAAAATATATC
TGCTGCTGTTGCTTTAGTTTCTCACCCCTTCAAATCAAGCTAAATCCCAATCTCCAGAAGATTTAACTTGTA
CGCTTCCCAATCTCATGTACATATCTTCTTTTTT

>trans_s_1768 NM_106696|Arabidopsis thaliana PTAC17 (PLASTID TRANSCRIPTIONALLY ACTIVE17)
(PTAC17) mRNA, complete cds

GTAATGAAATATCCAAAAGGCAAGGAAGAAGCCTTACACGCATGCGCCAATAGGGAAGAAGCAGCATCTTCA
AGTTCAAGCTAAGCTCAATCCTCCTTCTTCTTCTTCTTCTCGTTTTCAATTCTGATTCTTACCCTTTTCTTGTTTT
CTCATTCTCCCAATGGGTTCCATTTCTCTGGACATTTCTTCCACCTTTTTTACCATCCCTTCTACTCGCTCTAACCG
TATTTCTTCCCGCTTTCCTTCTGCTTTTCTCCCATCTCGCCCTTACCTTCACTCTCACTTCTTTTCAATCAACACC
TCTTCCCGCCCTCCAGTCCAAACGAACCTCCCCAAAATTCTCTGTCTTCGCCTCCACGGCCACACCCACATCAGA
GAGCGATGAATCCGATGTTTTGACCAAGATTCCCCCGATGACCGGATTCCGGCTACCATTATCACTGGATTCT
TGGGTTCTGGGAAGACAACATTGCTTAACCATATATTAACAGCAGACCATGGGAAGCGAATTGCGGTAATTG
AAAATGAGTTTGGAGAAGTAGATATTGATGGTTCTTGGTTGCTGCAAAAACACTGAGGCTGAGGACATTGT
TATGTTGAATAACGGATGTCTTTGTTGCACTGTGAGGGGTGATCTTGACGGATGATATCGGAGCTGGTTAAT
AAGAAGAAAGGGAAATTTGACCATATTGTGATCGAGACTACAGGATTGGCAAATCCATCACCAATCATTGAGA
CATTTTATGCTGAGGACTCGGTTTTTAATGACGTGAAGTTGGATGGTGTGTCACATTAGTTGATGCCAAACAT
GCAACATTCCACTTGGACGAAGTTAAGCCGGAAGGAGTTGTAAATGAAGCTGTAGAACAAATTGCTTACGCT
GATCGAATCATAGTAAACAAGACTGATCTTGTTGGCGAGCCACAAATTGCTGATCTGGTCCAACGGATAAAGA
AATAAAACCGGATGGCTCAACTG

>trans_s_1769 BT015640|Arabidopsis thaliana At4g19950 gene, complete cds

CTCTACTTCTTCTCCTCCAAACCAAAATAAGTAATAACTATGTTTCTAAATCAGAAAAGGCTTCAATTCCTCGG
AATCTATGGAATTTTCATAGAAACCTTCAAATTAATCTTACAGCAAGAGTAATCTTCTCTCAAATCACTCTCGC
TTTCAATCTCCCCCTTCTCTCCTAATCTTACCCTCTCTCAATCTTCCAATCCATGGAGTTCCCATCTCTGTCTTT
CTATTTCACTCTCTTCTTCTTCTCCACCGTCTTTTTCTTCATCTCCACTTCCGCCGCCGTCTTCTCCGCCGCCTGCA
CTTTACCGGACTGCCAGATTACCTTCCACCACTTGATCCTCGTCGCGCCCAAGATCTCTATGCAACTTCTCGTCA
CATTCTCTGTTAATCATAGATTTCTTGGCCTTCAATTCATCGCTCTTCCGCAATTACACTGATCGCCATCGT

GATTTCTCTTCTCTCATCTACGAACCGTTGGAGCTCCTCACTCAATTGCTGGTTCTGTTTCTTGCATTGAGATG
TTCTATTTTGGCCTAATTTGGCAAATCTCGAGCGTTGTCTCTGTCTTGAAGCGGATTCGTATGGATTTGAGGC
GATAGCTAGAAGTAAGGAAGTGATGAAGGGGAAAATGATGATGGCTTCGATTCTTCTGATTCTGATTTGCTTC
CCCTTCGGAGTGATTGTGTTTGTGTTAAGTTATGGGGTGTCTGAATCCGCGTTGGTGAGAGTGGAATTTTGG
GGAATGTTTGGATTATTCTGTTTATGATGTTCTTGTGAGTGGTACAGTGTGATTTGGTTTACAAATTGTTTA
ACGGCCAGAGCATCGACGAATCGGCTCTTCCAATCACCTTCAAGGATATTTTCAGATCAACTTGAACCGCTC
AAGGTTGAGGACGATAATAACATTGAAACATCGTTTGTAGTCTAAATATTGACTTATTTATTTATTTTCTTTTG
ATTGGGTCTAA

>trans_s_1770 XM_002311178|Populus trichocarpa cytochrome P450 probable 6-
deoxocathasterone to 6-deoxoteasterone or cathasterone to teasterone (CYP90A6v1), mRNA

CTTCCATTTGCTAACTTCATCTCTGTAATACAGCAGAATAGCTCGGGCTCAACGACATTAAATGCATTTACACC
GTTTGGTGGAGGTTCAAGATTGTGCCAGGTTACGAGCTGGCCAGAGTAGAACTCTCTGTTTTCTTCATCATC
TTGTCACCCAATTCAGGTAATCATCTACCTGCTCAAACATAGTTTAAATATGCAAACTCTGCTAAGATATCAATT
GTAATTCATCAATATTTTCAAGTTGGCTTCCAGCAGAAGACGATAAGTTAGTATTTTTCCCAACAACAAGAACACA
GAAGCGGTATCCTATCTATGTGACGCGTAAGAACGAAATTACACAATGTAAAGACAACCATCCAGACACATGA
AGGGAAGAGAGTCGAGCTGGGGTTTCGATATGTAGAGGGGAGGTGTAATCTTCTCTTAATCCTGTATGAAT
AAGATCATATGCTAAAGTAATGAGTTTTATAATACACAGAATATGGAGCTACTCAATAGCACAGCCAATGAAT
TACCAATACAAAAATTATAAATATCACTTCTCTCAGCCCCACTCCAAGGGCACCAATTTTCTAGCCAATCAA
ACACAGTCTTCTACCTACATATCTTGTAGTCAGATGTTGTCCAAGCTTCAAAATTCAGATGATTGACATAAGTC
TGAAGAATTTGGGGGGTTTGAGACAGGCTTCTTTACAGAAATAGTCAGAGATATCTAGTTGCAATTCCATTGA
ACACATTCAAATACAGAGAAGAGAAGATATCAGGATCTGTTCTCTCCTTGCTTTGTATCCTAGATTCAACTAG
CTTAACCTTTTGTAGTTCTCAGCATTGAGGAGGGAGAGTTTCTCAAGTGATGATTTGAGTTGGGAGATCTGA
GAGCCTTGATATAAGTGTTTCTCCTGTACATTTTTTGTGTTGGTTCACTAAATTGTTGTTCTTTGAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1771 NM_104335|Arabidopsis thaliana esterase/lipase/thioesterase family protein
(AT1G54570) mRNA, complete cds

AGAATGGCTGCTCGTTTTGGGGCTACAATTGTACCATTTGGTGCTGTTGGAGAAGACGACATAGCACAAATGC
TCTTAGATTATAATGACCTGATAAAGATTCTATGGTTAGTGACTACATCAGAGAGGCAAATCAGAATTCTGCT
AAAGTGAGGGATGCAGACAAAGGAGAGGTGGGTAGCCAGAATCTTTCCCGCCTCTGCTCTTTCCCAAGATA
CCCGGCCGTTTCTATTACCTGTTTGGTAAGCCAATAGTAACAAAAGGAAGAGAGGAAATCCTGAAGGACAAG
AATAATGCAAACCAATTGTATGATCAGGTTAAATCTGAAGTTGAACATATTTTAGCTTACTTGATTAAGAAGCG
GAAAGAGGATCCATATCGAACTTTATCGACAGAACAGTGTATAAAGCCATTTATTCCTCTCAACATGAAGTTC
CTACATTTGACCTATGAGAAATTATTCTTTTAAGTTTAAAGTTGGATACAATCATTTTATTCAAGATTGAAGAACC
TTCGGAGGTTTGCTTTCAAATATTTCTATCCGAATATGTCAAGTCGTGATCTAGAAAGAGGACATCAACTGGTA
CAAATTATGAGCTTGAATTTGGCTTTGTTTTCTCCATTCTAGCTTTAGGTGCCTGTATTATAAACAATTAGGAA
TACAAAGAAAGTCCAAGCTCTGATTAAACCACACAAAATAGGTTACCTTGTAATTTTAGCTTATTTGGTTACC
CATTTTTTCTAATAGATACATAGCTATTGGAAGCTTTCCTGTCTTCTGGATTTTTATTTAGACTTCGGATGAAT
TCAACGAAGGAATTGTTATTGGCCTTGTGATATCAAAACTCCTAGAATTAGGGGGGCTGTTTGGTGATTGACA
GGGGATGTAATTTCAAATTCATGTTTGGATTGGATGTTTTTTGCCGATTGCAATGTAAATTATTTCTGCCCC
GACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1772 NM_118356|Arabidopsis thaliana SOBER1 (SUPPRESSOR OF AVRBS1-ELICITED
RESISTANCE 1); carboxylesterase (SOBER1) mRNA, complete cds

AGACCAACTATGCCTACTCCATCGGTTCTGCTGCAACTAACCAAGCCCATCACACTCTCTGTAGCCACCCTCGC
CGCAACCATTCTCTTTGTTCTATTTCAATCCCCCTCACTCATCTTCTCAACAACCCACATCCCATGGCTGCTCGA
AGTTTCATCCTCTGGCTTCATGGATTAGGAGATTCGGGTCCTGCCAACGAGCCAATTAAGAGTCTCTTCACTTC
CCCTGAGTGTAAGCGCACTTCCTGGTCCTTCCCCTCTGCTCCTAACCAACCCTGTCACTGTAAATTATGGTGCTGT
AATGCCTTCATGGTTTGACATTCATGAGATTCCAGTTACTGCTGATTCTCCGAAGGCTGAAAGCTCTGTACTTG
AAGCAGTACAAAGTGACATGCAAAGATAGACAAAGTGGTAGATGGTGGCATAAGTCCAAATAACATATTTG
TGTGTGGATTCACTCAAGGAGGTGCCTTGACATTAGCCAGTGTTCTTCTATATCCAAAACTCTAGGAGGAGG
TGCAGTATTTAGTGGATGGGTTCTTTCAACTCAACCATTATTGACCGAATACATCCAGATGCAAAACGGACAC
CGATTCTATGGTCTCATGGAATCGACGACAGAACCGTATTGTTTGAAGCTGGGCAAGCCGGGCCACCATTCTCT
CGAAAAGGCAGGACTGAGCTGTGAATTCAAGGCTTATCCCGGTCTTGACATTCGATAAGCATGGAGGAGCT
TAAACACCTTGAGTCATGGATCAAGAGCCGTCTACAAAGCTCTTCTAAACCCTTTTATGTTGGATCACATTCTATC
GTTTCTGACGTGGGAAGATGTTATTTTATTAACCTGGATAAACTGAATAAATATCATTTTCATGAACAACCTT
TAAGCGCCTTATAATAGAAATTTATTTGGAAAGGCGTCAAAGTAGGGTTTCTTTAATTGTATATTCTAACTTT
ATTAGAAATATAATGTCGTTTTCGTA

>trans_s_1773 AY781117|Gossypium hirsutum ethylene-responsive element binding protein ERF2
mRNA, complete cds

GTAATAATTACAGGACTTCTTCTGTAATTCATGGTGTGTAAGGAGGCGATGCCCGTATTTCCCTTCCCCTCCATT
TACTCAACTTCATCTTTGTTTCTTCTTCAATTTATCACTCACAAATCCCTAAAATCTTGTTCCAACCTTTCAC
TCAACTTGCAATAACCCCTTTATAGTTCTAGCTGAATCCAACCATCGTTTCCAGTTCTTTGTACATTCCGTTTCC
AGTTCTTTGTGTTCAATTTGAGGAACAACCATGTGTGGAGGTGCTATCATTTCTGATTTTATTCCACCATCATG
CTCTAATCGGGTCACCGCCGATCACCTTTGGCCGAATTTGAAGAAACCTAAATCAGGGAAACATTCTGCCCTA
GGTCCCTCAGGTCGCGGATCTTCGATGTTGATGATTTGAGGCTGATTTCCGGGACTTCAAGGATGAGTCTGA
CGTTGAAGATGAAGATGATTTCTCGGATATTAACCTTTCTTTTCTACTCCTAATTCCGCTGCTCATCCACT
CGCGGATCAAGTGCTACAAAATCTTTGGAGTTCAATGAGCAAGCTGAGAAGTCTGCAAATACTAAGAGGAAG
AACCAATATAGGGGAATAAGGCAGCGTCCTTGGGGTAAGTGGGCTGCTGAGATCCGAGACCCCAAGGAAAGG
GGCCCGTGTATGGCTTGGTACTTTCAATACTGCAGAAGAAGCTGCAAGAGCATATGATGCTGAGGCGCGGAG
AATTCGAGGCAACAAAGCCAGGGTGAATTTCCCTGACGAACCTTTGCCTAATACTCAGAAGCGGAAAACTCA
CAGAAAGCAAAACAACATATCAAGGAAAACGTGAAAGCAAACCAACATCCAAATCAAACTACTCTGGAACC
CACTGGTTTCTGAAAAGTAAGCCTCCAAGTATCAAGTTGGATACATGGACTCATTCCCTGCTAGTATGGATA
GTTCTCCATCGGACGATATGGGTCATG

>trans_s_1774 AF466149|Medicago truncatula type IIB calcium ATPase (MCA3) mRNA, complete
cds

TTTCAGCTAACCGTTAACATTGTTGCTCTGGTGATCAATTTGTTTCTGCTTGCCTCTCAGGATCTGCTCCTCTTA
CGGCTGTACAGTTGCTTTGGGTGAACCTGATTATGGACACTCTTGGCCTTTGGCTCTGGCCACAGAGCCTCCAA
ACGATGGACTTATGCAGAGACCTCCAATCCCAAGGGGGTTAACTTTATTACCAAAGCCATGTGGAGGAACAT
TATTGGTCAGAGTATATATCAACTTGCTGTTCTTGTCTTAAATTTGGGGGAAAGCAACTTCTGGACTTG
ATGGATCTGATTCCACCATAGTTCTAAACACTTTGATTTTCAACTCATTTGTGTTCTGCCAGGTTTTCAACGAAA
TTAACAGCCGTGAGATAGAAAAGATCAACATATTCCGAGGGATGTTGAGCAGCTGGATATTTATGGGAGTAA
TGGTAGCCACAGTGGGGTTTCAAATAATAATTATAGAATTTTGGGAGCTTTTGAAGCACTGTACCACTGAG
CCGGGAACTGTGGGGACTGAGTGTGTTGATTGGATTTGTGAGCATGCCAGTTGCAATTGTGTTGAAGCTCATC
CCTGTTTCGTAAAGAAGAAGCATTACGGCCCCAGCATGATGGCTATGAACCACTCCCTTCTGGCCAGAGTTGG
CTTGACCTTCAGAGCTCTAAACCACCAAGCAAGACATCTGAATTTCTATTGGAAATCATAAGAATGGACTTT

>trans_s_1775 HQ449717|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc_SSR_8 sequence

>trans s_1776 XM_002867403|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT4g28450/F2009_130, mRNA

>trans s 1777 AJ002485|Medicago sativa mRNA for protein phosphatase 1, beta subunit

TTCAAAATATCGCACGATCTTTCTTGCTGTCTGTATTGGACAGCGGACCCTTTTTCTCGAAAGTCAGCTCCCTT
CAAAGTCCCCCTCCGATCCATCAGCAACCCCATATCGGACGGCGGGCGGCGGCGGCCGACCATGCTTATACACC
CAACCTCCTCCTCTTCCACTTTCTTCCGTTTTCTTCCCCTTTCTTTATTTCAACAACGCCCACTAGACCCTCTTCT
TTCGGTTCATTACAATATCACACCCCCAAATGGACCCTTCTCTTCTCGACGATATTATCAATCGTCTTCTCGA
GGTTCGTGGCCGTGTCGGCAAGCAGGTTCA GTTGTCCGAGTCTGAGATCCGACA ACTCTGTCAAGTTTCTAGA
GAGATTTTCTTGCAGCAGCCTAATTTGTTGGAGCTTGAAGCACCTATCAAGATTTGTGGTGATATACATGGGC

AATATTCTGATCTATTAAGGCTTTTCGAATATGGTGGGTTACCTCCTCATGCTAACTATTTATTTTTGGGTGATT
ATGTTGATCGAGGCAAGCAAAGTCTAGAAACCATATGTCTTCTCCTGGCATATAAAATAAAATATCCTGAGAA
TTTTTTCATATTGAGAGGGAACCATGAATGTGCTTCTATAAATCGAATATATGGCTTCTATGACGAGTGTA
GAAGATTTAATGTTAGGTTATGGAAGACGTTTACAGAGTGCTTAACTGCCTGCCTGTGGCAGCTCTGGTTGA
TGAAAAAATTTGTGCATGCATGGAGGTTGTCTCCTGACCTGAATAATTTGGATCAAATTAGAAATATGTCAA
GACCAACAGATGTACCAGACGCTGGCTTGCTCTGTGATCTTCTGTGGTCTGATCCCAGTAAAGATGTTCAAGG
TTGGGGAATGAACGACAGGGGTGTTTCATTTACTTTTGGTGCTGACAAGGTGACAGAGTTTCTTCAGAAACAT
GATTTGGATCTCATTTGTC

>trans_s_1778 HM068864|Carica papaya L-allo-threonine aldolase mRNA, complete cds

GAACCCAATCGTGGGTTAATCCGTATCTAAGTGTGGAAGTACTTAAAGAAGCTATATCAACTGCTTTTTCTTG
GGCTTATAACATCTTCCATTTCAAGATTTCAAGTGGTGAAGTACTTAAAGAAGCTATATCAACTGCTTTTTCTTG
TGTGACGAAACCGACGGAATCAATGCGAGCTGCGATGGCTATGGCGGAGGTGGACGACGATGTGTTGGGGT
ACGACCCACAGCCTTGAGTTGGAAGAAAAGATGGCAAAGATAATGGGAAAAGAAGGAGGGTTATTCGTT
CCATCAGGGACAATGGGAAATCTAATAAGTATTCTTGTGCATTGTGAACTAGAGGGAGTGAAGTGATTGTT
GGAGACAATTCTCATATTCATATATTGGAGAATGGAGGTATTGCAACCATTGGAGGAGTTCATCCAAGAACGG
TGAAGAACAAAGATGATGGAACAATGGATATTGATTTGATTGAAGCTGCCATTAGAAATCCAAAGGGACAGC
TCTTCTCCCGACAACAAGGCTCATTTGTTTAGAAAATACACATGCAAATTCGGGTGGAAAATGTCTTTGATG
GAATATACCGATGAAGTTGGAGAGTTAGCTAAAAAGCATGACCTCAAATTCACATTGATGGAGCTCGAATTT
TCAATGCTTCAATTGCATGCCTAGCAAAACCGGTGATCCACCGGTACGAGCCAATCATTCAGGATCAAAAAG
ACTATAATACCAAGGCAATAAGGATTAGAAAAACATTGGGTGGAGGAATGAGGCAAATGGCATCCTTTGTG
CAGCTGGACTTGTGCTATCAAAGAGAATGTTCAAAAACCTGAAGCTGATCATGAGAAGGCTAAGCAACTAGC
GAGTGGGTATACCAATCAAAGGATTAAAGGTAGATCCGAAATCAGTTGAGACAAACATTATATCTTTGAA
ATAGAAGACGATTACGGAATCTCGATGGAAACATTATG

>trans_s_1779 BT014821|Arabidopsis thaliana At5g54850 gene, complete cds

ATGAGAAGAGGGCGATGGCCGAACTTTTTGGAGGCGAAAATTGCAGTGAGGTTACGTTTGATTGTCTGCT
GGAGATTGTCAATAAGACAGGAAATTTACAACCTGAGATCTAATTTTACCTTTCATTCAAATCTTCTTTGGAG
CTTCAGATTTTCGTTCCATTCAATCCACTCACTGAAGGATTCCCAAATTTGAAACCCCATTTTCCCCTTTTGATCT
TCCCTCTTTTGTGGGTCGCTTCGTTTCTCGTCCCTTCTTGGCTGCAGATTTTGTTGATTTTCTTGTGGCGGCAA
GTATTGAAGATCTTCTCTTCTTCTTGGAGAACTTGCTTATCTGACAAAAACATGGTTCAGAAATTGCAA
CCCATCAAAGGTGGTGGAGGATCCATTAAGGTTGGAGCCACCGGAACTATTAGCTCTCTAATGATGAGGGAA
TTAGAGTCAATGAGATCAGCCTCCAAGAAGCCGGTAACTTCGAAAAACAAATCTTCATCTGCTACTACTACTAC
TATCACTGTTTCTTCTGCTACTTCCATTCTAAAGACTAGGTCAAAGTAAATCGTTTGATAGAGGTAAGCGATA
GAAGATATAATAGTGTTAATAACAGAAGCTTTGGGAACTCTCATAATGCTACTAAACTGGTTCGAGGGATGT
CCATCGAATGCCAATGCTTAGCTCTAATGATGTTTATACTGATGGAAATAGCTATAGAGAGAAACCAGAAAGG
AAAGGACTTAGAGCAGTTGCAATTGTGGATGTAAAGTGCAATAACCCTGATAGAGCTTGGGCTAGCCGCCCT
CTATCAAGTCGTCTCAGAAAACTCGGTTTTTCAAAGCTATCAGAAACCTTTGCTTGATTTACATCATACCCGACT
TATAGGCTGCTTCTATCTGAATCTTTGTGCTTTAGGAGCTTGCTGCCCCCTCTCAAGTTTCTTATAGTTAGT
TACAGGGTTTCAAATGATGT

>trans_s_1780 NM_001123947|Arabidopsis thaliana CPuORF19 (Conserved peptide upstream open reading frame 19) (CPuORF19) mRNA, complete cds

CCCATCGGCTTCTTCGTCACCGCGAAAAACAAGAGCCAAAGACTCTCAGGATCAGTTTTTTTTCTCCTATCACGA
CCATTCATCACTGTAAGGAAGTTGGCCATTCCGGTCTGCTGTTCTGTAGTTCAAAGTGGAGGGCGTTACGTTTG
AAACTCCTTTTATGTCTGAACGGGCTCTCTTTTTGTATCGATTGGATTGCTTGGAGAGTATTGTCCTACGT
CTAGGAAAAAGATCAGTTGTGCTGAGACTATTGGCTGCATGCATCTTGAGTTGCTAGGAGTTCATAGAAAAGC
ACGTGGTCTTGGTTTCCATTTTATGCGGTCTTTCCCAGCTGCTCAAAGAGCATCAGGACTTTTTGAAGATACTG
CTACTTCTACCTATCTTTTCTAACTAGAACTTGCAGTATTTCTGTATTTTAAACAACATGGCGTTGCAGAATATTG
GTGCCTCGAACCGCGATGATGCCTTCTATAGGTATAAAATGCCTAAGATGGTTACTAAAATTGAAGGTAGAGG
TAATGGCATCAAGACTAATGTAGTTAACATGGTGGAAATTGCAAAGGCCTTGGGCAGACCTGCCTCCTACACT
ACCAAGTACTTTGGATGCGAACTTGGTGCACAATCCAAGTTCGATGAGAAAAGTGAAGTCTCTTGTAATG
GTGCACATGAGACTGCAAAGCTGGCTGGTCTTCTGAAAATTCATCAAGAAATATGTTCAATGCTATGGATG
TGGCAACCCTGAGACTGAGATAATCATCACGAAGACGCAGATGATCACTATGAAATGTGCTGCCTGTGGATTG
ATATCTGATGTGCACATGAGAGATAAACTCACAACATTTATTCTCAAGAACCCACCTGAACAGAAGAAGGGAT
CAAAAGACAAGAAAGCGATGAGGAGGGCTGAGAAGGAACGGCTTAAGGAGGGAGAGGCTGCCGATGAGG
AGCAGAGCTGAATCTGAACCTGTTCAAGAGGA

>trans_s_1781 XM_002312717|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ACGTGTGTCGCCATCGTCAAAGGCTTCGCCTCCAGTTCTCAACTTCAGCATACTCCGTTCCGGAAGCAAGCTCGG
TTAGGGATTCAATCCAATCGGTGGCTTTCCTTCTTAGGTTGTCTTCTTCCATGAAATTCATCGTTCCAGGGCTT
CACCAGTTTCAATCTCCATTAACAAATTTTCCCCGATAAAATAACCGAATTGAGAGCAATCGAAAATGGGTTTT
GATCATCTTCCCACTGATACTGCACTGAAAATTGCTTCTTCCCTCAGGTATCGGAAAATTTGTTCTTTGGGCTGT
TGTTGCGGTTTTGTAGGCAACTTTGCGATTCCGATTACCTGTGGGAATCTCTCGCGAGGGAAAGATGGCCTT
ATATCAATGGTTCTTCTTCTCAACTCTCGCACAATCCCCATTTCCATGGGATGGAAAAGCTTTTACATTGAGA
GACATATTGAGATATTGGGAAGAGCCCCAAGCAGCGGTGAAGTTTGTAGAACAATGCTCTCCCTCTACCCCAAT
CGAGGGTGGAGACTATCTCAGGACAATTGGTGGCTTGTGGGATTTGAACTTAGTTTTGTTGATGCTCAAATG
GTGCTTTTCAAACCTCAACTCAATGAGCTGCTGAACTTGGTTGGCTTACACTACTGTAGAATTTGGCTTCAAGT
CCCTGCCAATCAAATCCTGGAAGCACTTCAAAGATGCAAGATAGCAGAAAGGCATATATGTGTGAAATGGTG
GAAGCTAGGAAGATGGTTTTATGGATTCCGTATGAGAGACGAACAACAAACTCGTCGAGTCTCTCTGGCAGA
ACTCATGACAGAAGAAGGGGAAGATGTTCTTGGGGTGCTTAGCCGTGGTGCCGTCCACGAGGTTCTTCGAGT
TCAGGTTTCTGTAGGTGATTCTTTGCGGTCACTGGTCTCGGCAAGCACATAAAATGAAAACACCCTTAGCATC
ATCTTCCACGTAAGCAATCTGCAACT

>trans_s_1782 FJ040205|Catharanthus roseus jasmonate ZIM domain 2 mRNA, complete cds

ATTTTTAAAAACACGTGCTTTTAAATTTCAAATATATAATTTTCAAAGACAATCCCAACAAAACACATCAAACCTA
AATTCAATTA AAAACAAGAAAATGCTAGGAAGGTAGCTCTTCTTTATATTCTTCTCTCATCTCCAAAATTGCAA
TCATCTAATCAAATTTGGAACACCCAAAGAGTTTTTCAGATCTCCAAATTCAAGTTACACTTCGAAATTTCCATA
CCTTTTTTTCTTTTTTAATTTCAATTCATCATGTCTACTACCTCCGACAACGCCGGCGCCGCACGGAGGTCTGG
CAAGGTCCCGGAGAAGTCCAGTTTTGCTCAGACTTGTAATCTGTTGAGTCAATACTTGAAGGAGAAGAGAAG
CCTTGCAATTACTCCAAGGATTGAACCAAAAGATGAGTTTCCGACGACTCGACCACCGGTGGTAATGAATTTTT
TGACGAACATGGAAATCCCAGATGAGAAATCTGCCTCTGTGGCGGCGGCGGACTCTATTCCACCAGCTGCAG
AGCCGCCCTCTGCCACACAGATGACCATTTTTATGACGGAAAAGTGTTGGTGTTAATGATCTACCGTCGGA
GAGGGCGGAGGAGATCATGGCCATGGCCGTAAGGGAATTGCGCCGTCTTCAAGATCTATCGCCACCGCCGT
TTCCGACAACGGCGGAGAAACAACCTCTGACGAAAGTCTCGAGCGATTTACCCATTGCAAGAAGAGCATCCCTG
CATCGATTCTTCGAGAAGAGAAAAGACAGAGTTGCAGCAAGAGGTCCATACCAAGTGAATTTACAAGCTTCTT
CTAAACCGAGTGGAGAAAGCTACAGATTGAAGAAGGACGAGCAATCTTGAAGCAGTTTGATTTAAATTTAT

AGGAAAGATTAATTTTATATGATAGTTAAGATTATTGTTGTAAAATTCTGACATTACAATTAATGGATGGGCTC
GATCCACGGGCGAGTGTAAATCGACTT

>trans_s_1783 GQ860950|Brassica napus GTP binding protein gamma subunit (GG2) mRNA,
complete cds

ATTCCAAATACATCAACAAGAAAAAAGATTTTATTTTATTTCACTCTTTCTTTGTTTGTAAAAATAATAATA
ATTATATATAAAAAAACCACCTTGCCCTCATCATTTGTTTCCAGCTTTCTTTGGTCCATTTCTTCTCCTTTTTG
AATGTTTTAAAAATCTCTCACCTTCCCTCCCCACCCCTCCAAAAGAAATCCCTTTTTATTTCTTCTTCTTCAT
CTCAATTTCCCATTTTCTCTCTGTTCTTCCCTTAATCCCAAAATTTCTTCATCAATTTCCCATAGAAAAGGAA
GAAAAAGAACATTCAATTTGATTTCTTACCTCTAACTCTCCAACAATGGCTGATGAACTCCACCAATCACACCC
ACCGTCCTCTCCCTCGCCGTCGCCGTCACCGCCGCCGCTCGACAGTCACCGAAAGAAGAACAAGAAGAAGTC
AATCCAGAAATCAAATCCAAGTCTCGATGTAAGAACAACACCTTCTTTGGCAGACATAGAATCACAGCAGCCA
TAAACAGACTCCAAAACGAAATCAATATCATCAAGAAGAATTGCAACAGCTCGAGAATATTGGTGAATCTTC
TACCGTCTGCGCAGGATTCTCCAGCGTTGAATCGATTCCAGATCCTTTGCTTCCAGAAACAATCGGTCCGA
CGGATGTGAACTGGGACCAGTGGTCCGAGGAGCTCATGGCAGTCGAAACCACAGACGGTGGATCCGATTCC
GGTGAAAGAGGGAGATCCAGTTTGAATTCGCGGTTGATTATAGGGTTTTGACATCATCTTCTTTTTTTCTG
TTGTTGATCGATTGCCGCCATAACTACAATGTCGAGAAGGAGAAGAAGAAGAAGGAAAAAGTCTCTTCAA
CTTGGGGAATTGAAACGACGACGTCGCAATCGGATCGTGTGTAAAAATTTTATTTTTCTTTCTTTGGATTA
ATACAATTTTTTCT

>trans_s_1784 BT024555|Arabidopsis thaliana At2g38450 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTGTTTTTTTCTTCAAAACCCAGCAAGAGGACAACGATTTTCGTTGTAGGAAGAAGGAA
GGTAAGAAAAACTGTTTCCCTTCTCAAATTATTATACTAATCCCTTCAAATACCACTTCATTTTTCTCAATTTCTT
CTCCCTTTTCATGAGATTGATCTCTCTTCTTTAAGTTTTAACCAAATATAGAGTTTGC GGCGCTTCAGAATCTCC
CCATATCATAAGGTCAAGGTTTCGGTTCAGTAATCGAAGCCGTTCAAGTTCAAATACATGGAGATTAGCGGA
GGAACAGAGGGCTTGAATCGCGTTCCTTTATCAGAAGTTGTTTCTGATTGCGTCAAAAGATGGTTTAAGGACA
CTTTGAAGGAAGCCAAAGCTGGCGATATCAACATGCAGGTCTTGGTGGGTCAAATGTATTATAGCGGTTATG
GGGTTCTCGAGATGCTCAGAAGGGAAGAATTTGGATGACAAAAGCATCAAGAAGACGATCGTCGGTCTGG
AAAGTTAGTGATAAACATCCAGGCTATAATGCTAGTGATTGAGATTGAGATGAATCGACTCGTGATTCTTAACT
ACACCAGTGTTGCTGATTCTCGATGTCATGTCAAAACAACCACTGGATGTGGTTTTCTACTGTGGAACTCTAC
TTGCTCAGCTATCTTTGTAGCTCTACGCATACTTGCTTCTGATTGTTGGATTGAAGGATGTAATATGCTTTGA
TTTTACCTTTACTCTTCAAGCAATTTCTCGCACTTTCTTGTTGGTCAAATTACCTAAATCTTATATTCATTTTTCAAT
TTCTATCTAGGTTTCCACTTTTTATTGTCTGGAGGAGATTTTGTTTTGATTTTGCATACATGTCCAAATTTGAG
CTTTTTTAGTTGCCATCTCAAATTCCTATTAAGCACCGTCTTAAGCCTCTTCCAACCAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1785 AY062852|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AACGCGAGAGGTCGTTTGATGATGATTTTGGCGGCGACGTTTATTTGCTGTCTATGGATATTCCTATGGATTA
TGTGATGGGGTTTTAAGCCTAGAAAACGCGGCTGAACTTCCTCATCTTCTTCTCATCTTCTCTCCACTCCAT
TCAATCTCTTCACGATTATCCGCATCTTTCCCTTTACCCCTTCTTCTTACTACTCACCTGCTTTCTCAATCCAAGA
ACAAGCAGCAACCCCATCAACTCCGCCACCCAATTATGTCCAAAAAAGGGCTTGGCGGTGGAGCTGCGCTTT
CAAAGGACGCGCCTTGGAGGGCCTCCGGAACCCATTCCCAAATCCATCATGCTCCTCTGCTCCGCATTTCC
CAGTCTCCCTTTCCGATTACGCTCTCGCTGTAATGAAGCATCCTGATCCGATTGGAAGTGGGTGGCTACGGA
TGCCGTTTTGGAAGCGGCTGGGCCTGATTGTATTGTGCCTGGACAATCCGCACCCGTTAAATTGCTTGGTCTCA

AGGTATGGCCCATGATGTCGATCTGAAGGTTCTTGAGCCTGTTGGCCGTGAGCTTAAATTACTTGGAAGTT
TATGGATGATGCGGTGAGCCTCATGAACAAGTCGTTCAATTGATCGCTAGACATGGCAGTTTCAATCGATGATG
AAAAGTTGCATAGAGGCTGCAATTTTGTGGCTCTGTGAGTGGCAACTTATCCACCGGAAGTGTCTTTTGATA
ATTTCTCTCTTGCTACTAAATCTTCTCATGTAAAAACAGTCTCTGGCCTCTAGAAGCGGTTTCATTACTCCCGTT
TCTGTGGCTTTTCAATTGTGACATTTAATAGTGAAGTGCCTTGTAAGGGTTTTCTATGGGGTTTTGATTGATAAA
GGTTATTGTGTAGAATAAGCATTAAATTAATGGTTCATACCCAATTTTCAACCTCGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1786 NM_201827|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT2G28940) mRNA,
complete cds

ATTCTGCAGCAAAGGCAAACCCTCGTGATTCTACCAATCTTCTCTCTATAAACGACAATGGCCCAAATTGAGAA
AATGGGTTCTTTCTCTCTTTCTTTCTTTGTGCTGTTACCTAACGCTCTTCCATTTTCAAATTACAATATGT
AAACGCTCAACCAAACCCACTTGGTCTTTTTCCCATCTCTTCTTTCACTCCTTCCATTTGACCAACCATCCTC
TTCCTCACAACCCCTTTTACCCCTTTCTGGTTTTCCAACCTTCAGATTCTGCAATCCCAGAACTTGTTTTCAAGC
TATGAAGTGTTTTCACTTCACCAATGGCGAGAGAAGGGATGATGAAGATGGGGTTGTTTCTAGAACTCAAAG
GTCTCTGGGGCTCGCTCGCTTAGTATGGCTTCTAGCACCTTGATACTAGACGGTCTGAGTTTGATTCTGACTAT
TCTAGGGATTTTTCTGACTCGATTGGGTTTTATGAGTTTCTGACTCACCGTAGGGCGAATGATTTGCGGGTTTT
TTCTTTTTCTGAGTTGAGATCGGCCACTCGTGGGTTTAGTAGGGCGTTGTTGATTGGAGAGGGAGGTTTTGGA
TGTGTGTTTAAAGGAGTTGTCAATGGTGATTCTAATTCCAAGTCGGATTTGAAGATGGAGGTTGCTGTTAAAC
AGCTCAATCGCAATGGCTTCCAGTATTCAGGGGCATAAGGAATGGATCAATGAGGTGAACTTTTGGGAGTG
GTGAAGCATCAAATCTTGTAATAGTTGGATATTGTGCTGAAGATGATGAAAGGGGAATGCAAAGGCTT
TTGGTTTATGAGCTTATGCGGAACAAGAGCTTGGAAGATCATCTTTAGCTCGAGTATCTCCACCATTTTCATG
GATGGCTAGGCTTAAATGCTCAAGATGCAGCTCGTGGCCTTGCAATCTACATGAAGAAATGGATTTTCAG
CTAATTTTCGCGATTTAA

>trans_s_1787 XM_002877991|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AAGCCAAAGACGGGTCTTAAAGCAACTCAACGCGTCCGAGTCACCTCCCTCACTCGACTCGCTCCCTCATCTTC
TCCGTGCCCACACCCAAGCCGAGTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGTTCTTACATAATTTTAAGAGACCC
CATCATCGGAACTTTTCGATTCAAAGCAAACCTTGTCGTTTTTGGACCTACACAGTTAACCCCATTTACTCGATT
TTGTTCCGTTACATTACTCTGAAATCAACTAGCTGTTGCAACTATTGCGGACATGAGTTTTGTCTCCGTGGAA
CGAGAGTTCCAGACATTGAAAATGGTCTGTCTGGATTTATACCTGAAAGGCGTGCAATGCGGGTTCATGCAGC
ACGTCCTGTAACTCAAACCTCACTTGCTTTCTTGTCACGGTCCTTTTGCTATTCATGATATAAATCTCACCAG
ATGTCACCAAACCTTTCTGCTCTGGCTTGGGCTTGGTGTCTTTTTGATGGCTACAACATTAAGGATGTACGCAAC
TTGTCAGCAACTTCAGGCTCAAGCCCAAGCGAGAGCTATGGCAGCCAGTGGTCTTCTGGTCACACTGAATTA
AGGTTACATATGCCACCATCAATAGCACTTGCAACTAGAGGGCGTTTACAAGGGTTAAGGCTTCAACTTGCTC
TGCTAGATCGGGAATTCGACGATCTAGATTATGAACTTTGAGAGCTTTGGATTCTGACAATGCTCCGACAAC
ACCTTCAATGAGTGAGGAACAAATAAATGCTCTTCCCGTTCATAAATACAAGGTTTCTGGTCCTCAAAGCGACT
CCTCTGTGAATCAGCAGGCTTCATCTTCAGAATCTAATGAGAAGAGACAAGATTCAGTTAATGCAGTTGGCAG
TACCAAGACCTCTGAGGATGACTCACATGCAGTGTTTGCTTGGAGCAAGTAAATGTTGGTGAACCTACACGTA
GTTTGCCATGTTTACATC

>trans_s_1788 XM_002867520|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AAGAAGCGGATAGGAAGGGTCGGGTTGTCCAGAGAAGGAGAGAGGGAGAGAGGTTCTTTTTATTATTTACC
TCTTTGTTGTTTATAACGTTGAATTCTCTCTCTCGTTCGCCACGGCTTCTTATTCAATTCAATTCGCCGTTT

>trans_s_1789 NM_102593|Arabidopsis thaliana VQ motif-containing protein (AT1G28280) mRNA,
complete cds

>trans_s_1790 L14749|Arabidopsis thaliana chloroplast glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase B subunit gene, 5'end

[illegible]

ATTTTGTACACAAAACACAAGGCATTGTTTTGTATTTGAAAGCCACATATTCATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1791 NM_001062222|Oryza sativa Japonica Group Os05g0446300 (Os05g0446300)
mRNA, complete cds

TCCCCCTGTTTTTAGATCTGAAACCGCTCTCCTTCTCGAGCCTTCCTCTCTCCGATTCTCATTTTCTTTTCCACTAA
TCTCTCGCAATTTTATTACCTTTGCCATAACTTTGCTTTGATATAAAATTTTCCACTTCAACTTCCCGGGGAGAGTT
GATTCAAAGAACCATTCTTTTTAACTTTCTCTCCTTTCAATCTCTTTTAGCTACACTCCGATCCCCTCTCTCTCGGC
TTTCAAATTCTTCCGGTATCTTCATTACCCGCCGACAAGGAAATTTTCCAGACAAAAAATGCCAAGATCAAG
ACAAACCGTGTCAGTATCCGGAGGGATGGGAGCTAATTGAACCAACTCTCCGAGAATTGCAAGCTAAGATG
AGAGAAGCCGAGAATGACCCACACGATGGTAAGAGAAAGTGCGAGACTTTATGGCCTATATTCAAAATAGCA
CATCAGAAAAAGCCGCTATATCTTTGATCTTTATCATCGAAGGAAGGAAATATCTAAGGAATTATTTGAATTCTG
TTTGACCAAGGCTATGCTGATCGTAACTTAATTGCAAATGGAAGAAGCCTGGTTATGAACGTTTGTGCTGT
CTAAGATGCATGCAACCTCGAGATCACAACCTTTCGACAACATGCGTGTGCCGGGTTCCCAAGCACCTGAGGG
AGGAGAAAGTTATTGAGTGTGTGCATTGTGGTTGCAGGGGCTGTGCAAGTGGAGATTGATACCTTCTCCTCGT
AGTTTGTCTCTGATTATGACTACAGACGCTTGGATGCTGTGTTTCACTCTTGGCTTGTAATTTGGTAAAAGC
TCAAATTCTAACATTTGACTAGAACTTACTCTGTTTCACTTGTAGGGGCATCGAGTTGCCGTTAACTGGG
AAAGATGATAGTTCGTATAAAATATTCTTTTTCTTGGGTATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1792 DQ097724|Arachis hypogaea calcium-binding pollen allergen mRNA, complete cds

AATTGGTAATCAACAACTTGCAACCAACCTGAAATCCCCATTTTCTTTACCCGTTTCAATTTTCCCCTAAATC
GACAATGCTCAATTTCTCCTTCTTTCATCCTCAATCCTCCGATTTTCATTTCTTTCTGATATCGGTTTTGGTGTT
GTAATTAATTCATCCACTGTTCTTCGCAGCAGAGAGAGAAACAATTCAACCATGGGATTTAGATCTCTGTTCCG
AAAAAGAAACCCTTCTCCTCCGTTAATTCTCCGCTCGTTTCTCATCCTCCACACTCGGATCTCGATCCTCATT
GATGGTTTCAGAAATCTCAGATCGCAGAACTCGAGGAAGTATTCAAGAAATTCGATGTGAACGGTGACGGAAAG
ATCTCGTCTGCTGAATTGGGCTCGATTATGACAAGCCTAGGGCACAACGCTACAGAGGAAGAGCTCGGGAAG
ATGATAGAGGAATTCGATGCCGATGGTGACGGATTCATCAATTTGCACGAATTTGTGGAATTAATACTAAAG
AAATCGATCCGGAGGAATTATTGGAGAATCTGAGAGAGGCGTTTTCGGTATATGATATCGATGGAAATGGAT
CGATATCTGCTGAGGAATTGCATAAGGTTCTGAGAAGCTTGGGGACGATTGTTCCGGTAGCGGATTGCCGGC
AGATGATCAGCGGCGTCGATAGCAACGGCGATGGAATGATTAGCTTTGAGGAGTTCAAGGTGATGATGTCGA
CGGGACTCTCCGTTGCTGGCGGCTGAGTTTGAACACCCGCCGTGGATTTCAGAGGAATTTGCCAGAATTTG
GATCTTTTTTTTTCTTTTCCGTTCTGTGTCTGACAAAAGTACCGCAAGTTCTTCCACTATTCTTTTTTTCAATATTT
CTTCTTTGTGATTTATCTTTTTCTTTTATCTTTCTTTATAAATGAAAGCCCTAATTTTATTTTATTATATAAA
AATGAGATCTTGTTGCA

>trans_s_1793 NM_114965|Arabidopsis thaliana FG-GAP repeat-containing protein (AT3G51050)
mRNA, complete cds

AACATGGAAAACCTTCAAGATTTGGCCGCACTCCAGACATGGCATCTTTAGAGGTCGCGACTCCTATTCTTATC
TCAAGAAAAGATGGTCACAGGCATCGCAAGGGAAGCCATGGGGATGTTGTTTTCTGACTAATCGGGGAGAG
GTAACATCATATTCACCCGGATTGCATGGTCATGGTGCCGATTGGCAGTGGCAGATCACAACAGGTGCTACTT
GGTCAAATCTTCCATCACCATCAGGAATGATGGATGCTGGCACCCTGATTCCCACACTGAAGGCTATCTCCTTG
CGAGTGGGCACTCAAGAAATGGTCCTTGCCGCAGGAGAACAAGAAGCCGTAGTAATATCTCCAGGAGGA
AGTGTACAAGCGTCAATTGAACTTCCCGCCTCACCACCTCATGCCCTCATCGCCGAGGATTTCTCAAACGATGG

TCTTACAGATATTATCCATGTGACCTCCACCGGTGTGTATGGCTTTGTCCAGACAAGGCAACCAAGGGCCCTCT
TTTTCAGCACGCTTGTTGGTTGCCTCATACTTGTAATGGGAGTCATATTTGTTACACAACACTTGAATTCTATAA
AGGGAAAGCCAAGGCCTTCAGCCAGTCGGTAAGTAGTAAGAAACAATCAAATCATATGTTTTGGTTTAAAAG
ACACTAACGGAGGATCAATGTGAATCATTGGAATCATTTTTCGTATATTTTGAGATGTAATTTAACAAGATAGT
CGTAGATTGTAAACCTATCAAAAGTTTTCTACCTTAGTTTTATTGCAGATTCCTTCTCCCCACTTCCAACCTGT
TAATTAATAATCAGAACATTTTAGTATTGCAATTTGATTGTCAGTCCAATCAAAATACTCTTTACATAATAGT
GTCATCAATCACATGCCAATATTGTTTGAGAAATAGTTGAAAACAGCTGGATATTAACCTTTCACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1794 NM_113880|Arabidopsis thaliana AT5MAT; O-malonyltransferase/ transferase
(AT5MAT) mRNA, complete cds

CTCTCTCTTTTAATTCTTTTTAATTTGGTGAGGAATTGTGCTCCTTCCAATGGAGGATGATCGTGAATGTTTG
AAAATAGTTGAGATTTGTAGAGTTGCTCCTTTCTCTCTATGTTACCTAAATTTCTCCTCTCACAAATCTTTG
ACATAATACTCCTTCAATGTCCTTCCATATCTCGCCTTTACTTCTATCAAACTCAATCACTAACAATAATAATGT
TCTTCAAAACTAAAGCACTCACTTTCTCTCATACTCACTCACTACCTTCCTCTTGCTGGCAACCTAATTTGGCCC
CAAGACTCCCACAAACCCATCATCCAATTCCTCGAAGGCGACACCGTTTCACTTACCGTAGCCGAGTCATCATC
CGACCACGACTTTCATATCTCTCTGGTGATGGCTTCGTCTACAAGCCAAATATTGCCATCTTGTAACCGAATT
ACCGATGGTCGACAACCGTGTTGCAGTCATGGCTCTCCAACCTACCTTTTTCCAAACAAAGGGTTTTCCATTG
GAATAACTACTACCATGGTGTGTGGATGGAAAACTTCAACTTCCTTTTTCAAAGCATGGGCTCATGTTTGC
AATAATAATCTTGATATCACCCAACCATCTTCATTCTTTCTATGATAGAACCACAATTCTCAATTCCACGTCTC
ATCTTGAACCAACAAGCTTGAACAAAGACTTAAATTTACGATTTTCATTTCAAACAAACCCGATTGGTTTCGA
TACACTTTGGAATTAAGAAGCCAAGACCTTCAAAAACCTGAAGAAATGTTTTGATGAGTGTTCTAGTTATAAG
GCAACCGTAGCTTACTTATTAGTGTGTAGTGCAAAGATGAAGAGTGTTTAAGAGATGGAAAAATATATTGCA
CTTTTCTGTGGATTTAAGGTCTCGTGATCATCTCCTTTGCCTTCAAACCTATTCGGGAATTGCATAATTGGTC
GTTTGTTTT

>trans_s_1795 AF061157|Vernicia fordii negatively light-regulated protein mRNA, complete cds

ACACAAACACTGTTCAATCGGAGTGTGGATTTTTAGGCGGAGCAGAGAAAACAAATCAGTTTACACTGGATT
GCTTTTGATCCGTCCTCGTATCCTCCGCTTCTAATATATTCATCATTTCCGATTGCGATCTGATTCTCCGTAATT
TATATACCGTTCACTTTCACTATAATTTTGGTAACGAAGGGGAACAATGTCAGAAAAAATTATCGAGGATGT
AAAGGAGAAAGTAATTGACGATGCTACTCCTAATAATCAAGACCATTGTGAGAAATCTGAGGAACAAATACC
AGGTCCAGATGAGAAAGTGGAATCCTATGCCTTCACCGCAGCAAGAGGAGGAACCATCAAGAAGAAGT
ACGGAGGAATAGTGCCAAAGAAGCCTCCTTTGATATCAAAGACCATGAACGTGCCTTTTTTGATTCTGCTGA
TTGGGCACTAGGGAAGCAAGGAGGAGCTCAAAAACCTAAAGGACCACTTGAAGCACTCAGGCCAAAGTTGC
AGCCAACCCACATCAGCAAGTCCGTTCAAGACGCTCGGCTTATGCTCCTGCCGATGATAGTGAAGGGAATGA
TGGAATATTGACCCCGCTTCTGAGGATCAGCAATCCACATTAGAAAGCGGCTGCAATGACCACGTTTCTGAA
GACAAAGTGTGCAAGGAATAACTGTCTGGACGAAAGAACTTGATCTACTTAGACCGAGCAGCATTCTGAAGT
CCTTGAATGATGCCAATAAGTGATACATGCTGAATTTAAGCTTCACTTGTTATGATTGATCATTTAATGTGGG
ACGATGCAATGCTTTCTATGCTTTAAAGTTATGAATTCATCCTTAGATTGCATTCGAGAATTATTTACAATCT
TACAGTTGGCTCTTGCTAGCCCAAGTGCTTCAATACAAATGTTATACACAAATATACCTTCTGTCTTAAGGAA
GAATTAATACCCACCATGGTTTCCTATTCT

>trans_s_1796 AY133526|Arabidopsis thaliana At3g19540/T31J18_4 mRNA, complete cds

CAATGGGAAGCTTGTATGGAGGCACACACCTTGGCTTGGTGCACATCGTGCTAAAGGGCCAGTTAGACCTTTG
CGCCGTGCGCTTCAGGGACTTGATCCCAAAACAAGTCCAGCATGTTTACCAATGCAAGATGCACTGGGGAG
AAGAAGATAAATGATGAGGATTGCTTCATCCTCAAACCTCTGTGCAGATCCCGCAACGTTGAAGGCGAGGAGC
GAAGGGCCAGCAGAAATTATAAGACATGTTTTATTGGTTATTTTCAGTCAGAAAAGTGGACTCCTAGTGTACTT
GGAAGACTCCCACTTGACTCGCATACAAAACAATGGAGGTGATGCAGTTTACTGGGAGACCACAATCAATTCA
TTTCTCGACGATCACCGACCCGTTGAGGGGATTATGATTGCACACTCGGGACGCTCGGTAGTAACCCCTCTTCA
GATTTGGAGATACTGCAATGAGCCACACTAAGACTAGGATGGAAGAAGCATGGACAATTGAAGAAGTAGCAT
TCAATGTCCCTGGTTTATCTGTAGATTGTTTCATTCCTCCTGCTGAACTAAGATTTGCCTCAATGAGTGAAGCTT
GTGAGCTTCCACAGGATCAAATCATTGATAACGCTGTCACAGCACAAGCATTACATGCTAAAGTAGCCGCACT
CGACAAGTTAGACGACAATAATGTAGCCTGGAATACAGATGCAGCGTAAGGGGAAAATGCGAAGAGGAACG
GACAGATTGTAGTAAGTTATTGTATTGATAGCAAGCTTAGATGCTTAGAACTCTTTGAGATAATTAATAGCACA
TATAGGAACTGGGATCAAATACCCTTTTAAATTTGTAAATAGAGCATTGCCATTCATAAAATTTTCCCTGTTCC
ATGATAAATTGTCAATACTCATCCAAAAGACTCCTTTTGAAATCTTGTGCAAAGTCAGATCACTTTCTCCTTGTA
ATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1797 AM231285|Spinacia oleracea lhcb1.2 gene for major chlorophyll a/b binding protein LHCb1.2

AAACAAAAAGTACTCCAAAGTCAAACATAACAAATACGATGGCAGCTTCATCCATGGCTCTCTCCTCCCCATCTC
TCGCCGGCCAAGTCGTCAAGTTATCCCCACCGCTCCGACCTCCTCGGCGAAGGCCGCATTACCATGAGAAA
AACCGCCGGAAAGCCCAAGCCCGTTTCTCCGGTAGCCCATGGTACGGCCCCGATCGTGTTAAATACCTAGGC
CCATTCTCTGGCGAACCCCCATCTATCTAACCGGAGAATCCCCGGTGACTACGGTTGGGACACTGCCGGCCT
CTCCGCCGACCCAGAAACCTTCGCCAAAACCGTGAAGTGAAGTAATCCACTCGAGATGGGCCATGCTCGGA
GCCTTAGGCTGCGTATTCGCGAGCTCCTCTCTCGCAACGGAGTCAAATTCGGCGAGGCTGTGTGGTTCAAAG
CTGGATCACAAATCTTCAGCGAAGGTGGGCTCGACTATTTGGGGAACCCAAGCTTGGTGCACGCGCAGAGTA
TTCTCGCCATTTGGGCTTGTCAAGTAGTGCTCATGGGAGCAGTGGAAGGATACAGAATTGCTGGGGGTCCGT
TGGGCGAAATCACGGACCCGATTTACCCAGGTGGGAGCTTTGATCCATTGGGGCTGGCCGATGATCCAGAGG
CATTTGCGGAATTGAAAGTGAAGGAGCTTAAGAATGGTAGATTGGCTATGTTTTCGATGTTTCGGATTTTTCGT
TGTTGCGATTGTAAGTGGGAAAGGGCCATTGGAGAACTTGCTGATCATTTGGCTGACCCTGTAAACAACAAT
GCTTGGGCCTATGCTACTAACTTTGTACCTGGAAAGTGAGGTGTAAAGTTGTTAGAGTGTGCGTCTTCTCTTG
TGCCAGGGATTCTTGTTTATTGTATGTGTTTATTATTATAATTTTATGTTTGTTAATGGAATTGTGAAGTCTTG
AATTGGGTGTGTGTTGTGACCTACCGT

>trans_s_1798 NM_001065816|Oryza sativa Japonica Group Os07g0245100 (Os07g0245100)
mRNA, partial cds

ACTTATATCCTTCGCTTTCACATACTCTTTTCTTTTTCATTTCTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCT
TCTACAGTCTCTTTCCATCTTCCCCTTCATTCCCTCCATTACTTATATACCTTGATTTCTTCTCTCTCCATCCAA
CTTCAACTCTCTCTATTTTCTCGATCCCGATCATGGCCGATTCTTCTACTGTGGTGGAAGCTATTGATGGAAC
TTTCTGTAGCATCTGCATTTGGGTGTCATCAAGAAGCTGTACAAGACAGAGACCACAAGTTCTTGACACAAGC
AGTTGAAGAGGCTTACCAAGGAGTTGAGTGTGGAGATGGAAGTCCTTTTGGCGCGGTTGTTGTTCTGTAACGA
TGAAGTAGTTGTGAGCTGTCATAACATGGTTAGAAGAAACACCGACCCTACAGCACATGCTGAAGTCACTGCA
GTTAGGGAGGCTTGCAAAAAGCTCGGTAAAATCGAACTTTCAGACTGTGAAATCTATGCATCTTGTGAGCCCT
GTCCGATGTGCTTCGGTGCCATCCATCTTCAAGAATCAAGAGATTGGTTTATGGAGCAAAAGCAGAAGCTGC
AATTGCCGTTGGGTTTGATGATTTTCATTGCTGATGCCATAAGGGGGACTGGGTTTTATCAGAAGGCTCATTTG
GAAATCAAGAAAGCTGATGGGAATGGTGCTGTCATTGCTGAGCAAGTATTGAGAAAAGTAAAGGAAAAATTT

CAATTGTATTAATAATTATCCTTTTATTTCTTTTCTTTTCTGTTTCTTTCTGCTAAAATAAATAAATATCAA
AATGTTTCATTACATCTAATTCATGGAACACTCATGCATTTGTAGCTTTAATTTAACTTTTTCAATCAAACACATTT
TCTGTCTCTTTAAATTGTTAATATCAATGCTATGCCAATCTTAATTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_1799 NM_120752|Arabidopsis thaliana WCRKC1 (WCRKC THIOREDOXIN 1) (WCRKC1)
mRNA, complete cds

AAATGTTGAGGGAGGGGGACCAAAAAGAAAATGTGTGGATGTGGGCCCCCACTCCCATCCCATCCCATCCC
CTCTCACTTTTTTGTCTCTTACCTTACGGATAAGGACTCCAAAGAAAGAAAAAAAAAACTTTCCCTTCAACAGT
TCCACTCCTTCTACTCTCTCAATTTCAAAGAAATAGAGAGAAAGAAAACCCTAAAAACAGAGAGAGAGAGAGA
CACAGATATGTATGTTTTGGGTGCAAGTAGTTCTCACATTCTTTACGCACAACCTTCACCAACACCAGTTTCTAAG
CAACGGGAAGCGTTGTGGTTTTCTCAATACAGATTTTGGAGATCACCGGCGGAGGGAGCTCCGGATCAAGGC
CGAGGCCGGCTTTTGGCCGGATTTGTCAAGACCAGCGTCGGTGGAAATGGAATCCATTGACGATTCCGATCA
ACTCGATCGGATTTTGATCCACGCTCAACAACCTTTCTCAACCAATTCTTATTGATTGGATGGCAACTTGGTGTA
GGAAATGCATCTACTTGAAGCCTAACTCGAGAAGCTTGCTGCTGATTATGTTACCAAAGTAAAATTCTACTAT
GTAGATGTGAATAAGGTCCCTCAATCTCTGTAAAACGTGGAAACATCTCTAAATGCCAACAATTCAGCTTTG
GAAAGATGGAGAGATGAAAGCAGAAGTAATTGGAGGGCACAAAGCTTGGCTTGTGATTGAAGAAGTTAGAG
AAATGATCCAAAAGTTTGCTTCATAATTTTCTGTCCACAACACTTTCTTTGTTCAATTATTATAAATACTTCATCTT
CAACCTCCCCTTAACCTCAAATTTCACTCTCAAATTTTTATTATATAATATACATCCCCATATTTGTAAAACCTTA
ATTTATTGTACATATATAACAATATGTTTATGTCAAATCTTGACACCTCTGTAACCTTAAGGTGGTTACACGTAA
TCAATCACATATGTTTCTC

>trans_s_1800 NM_129312|Arabidopsis thaliana SLT1 (sodium- and lithium-tolerant 1) (SLT1)
mRNA, complete cds

CATGAACGGGCACTCTCGCCAAGGCGAGCCTCCTTTTCCATTTGGTGCTGAGAAAGGCTTTGTTGATCACATA
GAATGCAACGAAAGCATTATAGGGGTCTCTCAAATCCTCAGTGTGTACATGGGATTGAGGTTGTTGCATCTCC
AAATCTAATGTCTCTCGACGAAGAACTACGAAAAAGATGGGTTGAACTAACGGGTAGAGACTTTAACTTCACT
ATACCACCTGAAGCAAGTGATTTTAGCTCATGGAGGAACCTTCCTAGCCCAGATTTTGAACCTGAGAGGCCAG
TTCCTTCTGTCAAAGTGCTTTAAATCCTCAACCAAAGAAATTGCTCAATGGATCTACCCTAAATTTGTCAAACC
ACAACCTGTGATATGATGGATTTATCGCCTGTTACCAGCAAGAAAGAAAGAGTTCATCTCCTAATATGAATGA
TGATGATTGCGTATTGATGGTCAATCCCCCGACTGGATTTGAGATATGGACAAGCACTCGAATGGTTTGCAG
TGGTTGAACGACTTTAGCGGAGTTATGAAAAACAGTTATGGGCCTGTTACAGCTGCGAAGTCGATATATGAA
GATGGTGAAAGTTATTTAATAATCATCATTTTGCCTTTGTGGATCTACAAAGGGTCAAAGTTTCTGGAGGAA
TACACTCACACATGGTATCATAAAGTTTCTGTGTGAGCACATCTTGCGTACCGTTCATCAAGAGGCATGATA
GAACCTTCAAGCTTTTAGATTCTATACCGAACATTGTCCCCAGGTGAATTCGTGCGGGAGATTCTCTTTTG
ACTCGAATTCCTGAAGATGCTAATATCGAAGCATACTACGATGGACCGGGATCTGTTCTTGAGATTATGGTTCC
CAAACCTCCGTGAAGGTTGAGAAGAACACGAGGTTGATGTTTGCCTTCGACCGCTCCATGGAGTCACTTCTAGT
GTAATGTTGAGATAGCGGTTGTCTT

>trans_s_1801 HQ449727|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc_SSR_18 sequence

AGAGAAGAGAATTGGCCAACAAGCTTTTTGGTCATGTACTTAACTGAGTCTTCAGATGTATGGTTGTCGAGT
GATCCAGAAGGCAATTGAAGTAGTAGATCTGGACCAAAGACTAAAATGGTTGGGGAGCTTGATGGGCATGT
CATGCGCTGTGTACGGGATCAGAATGGGAATCATGTTATACAAAAGTGTATAGAATGTGTCCCAGAGTCAGC
AATCCATTTTATAGTTTCAACATTTTTTGTATCAAGTTGTGACGCTCTCAACTACCCATATGGGTGTCGTGTGAT

>trans_s_1804 NM_106295|Arabidopsis thaliana oxygen-evolving complex-related (AT1G76450)
mRNA, complete cds

ACAAATGTAGAACATTGTACAAGAAAATCCATCTCTAATCCTTGAGTGGACTACAAGCATGGCGATGCCCTC
CCTTCTTTACCCAGCGCTCTAATCCAACGCCCTCACTCATTCCGCTTCTCACAATCATCACTCTCCAATGGATTG
TCCATTTTTCTATCCGCTCAACGCTCCGAGTTTTCTGCTCTGCCAATAAAAAACCCAGTTATTTGGCGAGCAGA
GTCAACAGACGAGAAATTATGCTAGGGATTGGATTACCGCATTTTCATTGCAAGAAGTTGTTTCTAATGCTCC
AGCTGAGAGTGTTGTGGTTGCTGAGGATCATCGGACGTACACAGACGAAGCGAATAAGTTCAGCTTGGTGAT
TCCTCAAGATTGGCAAGTGGGTAATGGTGAACCGAATGGATTCAAGTCGGTTACGGCATTTTTTCTCAAGAA
ACTTCAACTTCCAATGTCAGTGTTGTAATCTCGGGGCTTGGTCCTGATTTACGAGGATGGAATCCTTTGGCAA
GGTCGAGGAATTTGCTGATACATTGGTGAGTGGACTGGACAGAAGCTGGAAAAGGCCACCAGGTGTGGCGG
CAAACTTATCAACTGTAGATCATCGAAAGGGATATATTACATAGAGTATACACTGCAGAATCCAGGTGAAAG
CCGCAGACATTTATACTCGGCAATTGGGATGACATCCAATGGCTGGTACAATAGACTTTACACCATAACAGGA
CAGTATGCAGATGAAGAATCGGCGAACTATAGCTCCAAAATTGAGAAGGTTGTCAATTCCTTCAGTTTCATT
GATGATTGCCACAGAATTGGCTTCCACTACACCATTCAATTATGGGTAAATATTTTCACTTCTCTCTCTCTCT
CTAATTATTATTATTTCAATTACATTTCTATTTATTATTATAATAGTGTTGTTTCTAATCTACAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1805 XM_002865783|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat family protein, mRNA

TTGCGTCATTTAGTGAAATCAAAGAGAATTTCATAGAAGAAAATGGGGTTATGGTCTTTTGGGACTTTTGGC
CTCGGGAACCTCCGTTGGCCCAAGAAAACGCAATTGGGTGTTTGTGTAATTTAGTTTTGGACGATGATAATCTG
AAACTCTTGATTGTTAGAGAAGGTGGGATCGAGTTCCTGAGAAATTTCTGGGATTCTGTTCCATCAGCTCGTA
GTCTTGAAGTTGCTGTGGAGCTTTTAAAGCCTCTTGGCTTCTTATTCTCCAATTGCAGAAGCTCTTATTTCCGATG
GATTTGTCGATAGACTTCTCCAGTTTTGAGTTGCGGAGTATTAGGTGCTAGAACTGCAGCAGCTCGAGCAGT
TTACGAACTCGGATTCTGCACGAAAACGAGAAAAGAAATGGGGGAATCTGGATTCAATACACCTTTAGTTAAT
ATGTTGGATGGTAAATCTGTTGATGAGAGAAAAGCAGCTGCTAAGGCATTGTCTTCTATTACAGTACTCTG
GTAATAGAAAAATTTCCAGAAAGAAGAGAGGGGAATTATAAGTGCGGTTCAACTCTTAGACCCTTCAATCTC
GAATCTGGACAAGAAGTACCTGTTCATTATTATCCTCAGTTGCGATTTCAGCAAGTGTAGAAAGCAAATG
GTTGCTGCTGGTGCTGGTTTGTATCTACAAAAGCTTGTTGAAATGAATGTTGAGGGGTCAAAGAAGCTATTGG
AAAGCCTTGGGCGTGGTAAAATCTGGGGTGCTTTGCTAGATCTTAGCCCATCAAGGAGGCAATTTTCCAAAA
TTCTGTTTAATGTATAGGAACAGAAGCATGATTCGCTGTATGTACAATATATGTTTGTATATTCTTAGTTTTAAT
GGGTGTTGATTTTTAGTTTACAAGTTAATAATCTTTTTATCTGTTCTTTATGTGGTAGAAATGTCAAAATGCTGC
ACCATGCCAGCTGAATTTGAGCAT

>trans s 1806 DQ306777|Hevea brasiliensis isolate SSH48 mRNA sequence

[illegible]

CCCCCGGGGGGGGGCCCCGCCCCCATTCCCCCAAAAGGGGGGAAAAAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTT
TAAACCCCGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTCCCCAATTAAACCCCTTGGGAAACCCCCCTTTTCCCC
GGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCCCCCCCCCCAAAATTTGCCCCCAAAAGGGAAAGGGGG
ACCCCCCCCCAGCCCCCAAAACCCCGGGGGGGGGGGGTTTCCCCAAGGGGGCCCCCTTAATTTTGGG
GCCCCAAACCCCCTTTTTTTTTTTTTTCTTTTT

>trans_s_1807 AJ010811|Populus tremula X Populus tremuloides mRNA for Homeodomain protein HB2, partial

TGACGATCATCTCCATCACCTCACTGGAACAACGGCCGCCGGGGCTCTCTACGTCAAAGTCATGACCGACGAC
CAATTGGAGACTCTTCGAAACAAATTGCTGTTTACGCCACCATTGCGAGCAGCTTGTTGAGATGCACAAGA
CCCTTACTGCTCACCAGGATCTCACAGGAATGAGGTTGGGTAATATGTACTGTGAACCATTGATGACATCTTCC
AGCCACAAAATCACTTCTAGACAGAGGTGGACTCCGACACCTGTGCAGCTTCAGATCTTAGAGCGTATATTCCG
ACCAAGGGAATGGGACTCCCAGCAAGCAAAAGATCAAAGAGATAACCGCTGAACTGGGGCAGCATGGCCAA
ATTTCTGAATCTAATGTCTATACTGGTTCCAAAACAGGCGTGCTCGATCGAAGAGAAAGCAGCAAAAGTGCCC
CACCTGCCTATGGCGAATCAGAAGTGAGACAGAAGTTGAATCACCAAAAGATAAGAAGACGAAACCTGTGG
ATTTTCAAATAATCAATCCTCTGCACCTTTAGGGGACGACATGTGCTTTCAGAGTCCGGAGATGAGTTCTGAA
CTGCATTTCTGGATCCAAACACCAACAAAGCTGATACTTGTTCCTTCAAATGGAAGTTAAAAACGGCAAG
AAGCTTCGGCCAGATGTCTTTTATGAGGCTGGGAATGAGCAGCTGACAGGAAAGATTGAAACGCCAGAGAA
CTATAGTATCTACCAGCAAGCAGAAGGCTACAACATGACGGGACGACCATGAATTCTTACACAATTAACACGA
GGTGTAGTTGTGATATTACGAATGTGCTGGACTTCTGGCTCTCGTGTGAATGCACTTAGTCTAACATTGAAGG
AGACGGTGATGACGATGACCAATGATGCTGACTTGTGTGCTCGTATCTTGTCTGGATTGTCGGAGTATACAG
TTTTGAGTGATGTATTTGGTTGGATTGTGT

>trans_s_1808 AF367255|Arabidopsis thaliana AT3g52990/F8J2_160 mRNA, complete cds

TAGTATTTTCATCAAAATTGGTCAATCCCCTCTACACTTTCAATCTTTGCGAAATATTTGAGTTTGGTTTAAGGTC
GCCTAGCTTAGAAAAGAAATTGTGCGAGCTTGTGCAACATCTTCCGCATGTCTAGCATGTGACAGAGAGAGGAA
GTCAATCTTGTTTTTACTCCCCACGTAGCTATGATCTCTTTGTCTTCTCAGTAAGTGTTGGAAGATCAATGTG
AATTTCAGCAGCATGCAAAGTGACATTGTACCAACCAACGTGGCAGAGTTTTTTACCACACAAACAACATCAT
CTCCTTTCACCTCAGAAACCTCCAACCAGACAGATGTTGTTTCACTTCCAGTAAAGAGGTACTGACCAAGAAAA
AGGGTGTCTCTTTCTTAACAACCTTTGAAAGTCCATCATAATTTATAGGTAGCAGCTCCGAAGATGCCTCTAG
TTCTTGATTGGGTGTTAGAATAACAAACCCACCTCCTGAAGAGAGATAGATTTCTCACTTCTATTTACAACCA
ACACCTCAGGACCCGCTGTATCCAGCATAACAGCACAAAGTTTCTTGGTGCTTTTAACAGCAATCTTCAAATTT
TCCAAAGTCTCTTGATGGTAATCCGACTACCCCATGAAAAGTCGAACCGAGCAACCGACATTCCAGCCGTCA
AACAAGCAGAAATAACTTGACAGATCGAGAGTTAGGACCCAGAGTACCAACAATCTTAGTCATTGTAGGAA
AGAAGCTCCAGATGGAAGGCTCCAAAATGGAAGCCATCCGAATGGGCTCCTCAAGAAGCAAGTGATTGGAAT
GCATTTTGGTGAAAATGGGAATGTGGGTTCAAGTTGGAAAGAGAAGAATCCTTGGAAGAAAGAAATCTTTTTT
GGGGGGGGTTTAAAGTAAAGAAGAGCAAAACAAGTTCTGCAAAACAAACCAGAAGAAGATGGATCAATAG
ATTCAATACATTCGAGTCTTCCACT

>trans_s_1809 XM_002887268|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

ACCTTTGAGGGAGGCTATGCTATTTCTCCGATGGGGAAAGCGCTTTAAGCATGGCCGAGGTGGGGTTCGACC
CAATTCTGACAAGGCTCTTAATTCCTTTCTTAAGGGTGCCGCTCGTGGCTCCACCCTTGCTATGGTTGATGCCG
GACTTCTCTACTGGGAGATGGGCAACAAATACGAGGCTATTGCCTTGTAACAGAAGGCTGCCGACCTAGGCG
ATCCTTCTGCCAAGTGCAATTTAGGAATCTCCTTTTGCATGCAAAACCGCCAAATCCAAGTGAAGCTGTAAAA

TGGTTGCGACAAGCATCCATGGTTGGCAACGTTGAGCTCAATACCAACTTGCTCTGTGTCTACAGCAGGGTA
ATGGGGTGGATCGGAATGTACAGGAAGCTGTATGTTACTTTTCCCCTTCTATCTATTTTGCTTACGAGGGAGA
ATTATGTTTATGTTTAGGGCTAGGTGGTTTTTCAAAGCCGCTGAAGGGGGATATGTGCGTGCCATGTACAATC
TTTCTCTGTGCTATTCTTGCGGTGAAGGCTTGGTACACAACCATCAGCAGGCTAAGAAGTGGATGAAGCGGGC
AGCTGATCGTGGTCATAGTAAAGCTCAATTTGAGCATGGACTCCATCTCTTTTCTGAAAGAGACATGATGAAA
GCTGTAGTCTACTTGGAACCTGCAACTCGTTCTGGTGAAAGAGCTGCTGGTCATGTCAAGAGTGAATTCTCC
AACAACTTTCACAAAGTTCACGGGATCGTGTCTGTCTGTTGCCGATAACTGGCGTCCATTGCCTTCGTCTCAT
TGACGTCAATTTTTTCGCATACAAATGAAGTAACCTTTTTACAAATGTACACTGGGTGCTTTTTGTTGTAGTCA
TTGCATCCAAAAATACTAATAGCCATTCAGTAAAGTTGCCTTAATACTTGAATTTGCTCGTTCCACTTATT
AGATGGTTGTTTATGTCTTTTC

>trans_s_1810 NM_001067414|Oryza sativa Japonica Group Os08g0120500 (Os08g0120500)
mRNA, complete cds

TGGAGGATATCGCTGGCAGGTTGGTCCCGAATTGTAAGTGAAGTGTGAGACTGTCAGAATGGCACGGTCATTAA
TTGCAGCTCGTCATGCCGGTGAAAGGCTTTTGCATGCTGGGGCGGTGGAAGTGGCTGGGCAGTAGAGGAT
GCAAAGGACAAGATTCATAAACTCTTGAGGAGTACGAAAGCGGAGGCGTCGTGAGTGAAGCTTGCCAGTG
TATCCGTGATCTAGGGATGCCTTTCTCAACCATGAGGTTGTGAAGAAAGCATTGGTTATGGCCATGGAGAAG
AAAAATGATAGGATTCTAGATCTGCTGCAGGAATGCTTCAATGTCGGCCTGATCACCATCAACCAAATGACTA
AAGGCTTCTCTAGAATCAAAGACAGCCTCGACGATCTCGCACTTGACATTCCAAATGCAAGCAAGAAGTTCAC
ATCCTACGTGGAGCACGCCCAGAAGAAAGGATGGCTCTTACCGTCGTTCCGGATCATCTGCTGGTGCAGATTCT
TCAGTGCTGCAGCTTCTGAGGGGAAGAAAAGAAAACAAAGTTTTAGATTGTTTATCTCATGCATGTTGTTG
CCTCATTAATTCTCTACACCGTCTCAAAGCGCCATGAGCGCTGCTGCTTGTCTCATCTCAAGGTAGCAGTA
GATTAGATAAATGATGGGGTCTTTTTGCTTCTTCTCCTCATGATGATGTTTTTCTTTATTTCTTTTTATTTTC
TTTTCTTTAGCGGTGGTCTGATAGGAGATAATATGATCCTTGGCATTGTACAAATATCGGGTCTGTTTTCTT
TTCTTTCTTTCTTCTCTTCTCCTCTTCAGTAGGCAAAAATGTTGTGATAATCCCATGTTGTTTAGACAGGATC
TTTTATAACTCATAATATGCTGCTGCTTCGCACAACATGGAAAGGGTTGGTGGACAGTACTTTTCACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1811 FJ840479|Castanea mollissima protein phosphatase 2A catalytic subunit mRNA,
complete cds

AGTAAATTAGAGGGGAAGAGGACGGGGAAGAAGAAGACGGAGTCTTTTTCTAGGGTTTTCCGACGGATCTTT
TACGGCTCACGAAATCCTATGAACTTGAAGGGAGCACCACCGAATCGGCGGGATCTTGATCTGTAATTGCCTT
CGCTATTGGAGTGAAGAAATCACCAGAACCAATCTAGGGGAAATCATGGATTCCGTTTCTTCTAACTCCCACG
GAAATCTGGACGAGCAGATTTCCAGCTCATGCAGTGCAAGCCCTTGAACGAGCAGGAGGTAAGAGTATTGT
GTGAGAAAGCTAAGGAGATACTTATGGACGAGAGCAATGTTTCAAGCTGTTAAAAGTCCGGTAACAATATGTG
GTGATATTCACGGGCAATTTTATGATCTTGCAGAACTCTTTCGATTGGAGGGAAGTGTCCAGATACAAATTA
CTTGTTTATGGGAGATTATGTTGATCGTGGCTACTACTCAGTTGAAACTGTTACACTTTTAGTGGCCCTTAAAG
TCCGATATCCTCAACGCATCACAATTCTTAGAGGAAATCATGAAAGTCGTCAGATAACACAAGTTTATGGGTTT
TATGACGAATGCTTGAGAAAGTATGGCAATGCTAATGTTTGAAGATTTTACTAACCTGTTTCCGACTATTTTCC
GTTGACAGCACTGGTGAATCAGAAATATTCTGTCTGCATGGTGGTTTGTGCGCCATCCATTGAAACCCTCGAC
AATATACGGAATTTTATGATCGTGTTCAGAAAGTTCCTCATGAAGGTCCCATGTGTGATCTTATGGTCTGACCC
AGATGATCGATGTGGGTTGGGGAATTTCTCCAAGAGGTGCTGGATATACCTTTGGTCAGGACATATCTGAGCA
GTTTAACCATAGTAATAATTTAAAGTTGATTGCAAGAGCTCATCAGCTAGTGATGGAAGGCTATAACTGGAGT
CATGAACAAAAAGTTGTGACTATATTTA

>trans_s_1812 NM_001084223|Arabidopsis thaliana FU (FUSED); protein serine/threonine kinase (FU) mRNA, complete cds

AGAAGCCGATTAATATTACTTTTGTGGTGTCTGTGGATTATATTCTGTTTTATCGGGTCACCCTCTGTTTCAA
GTGTATACAACCTACTATATGAACTTGCAAGGCAAGGTATGACATAATCAATCTTCTAATCGATAGATGTTCTG
ATGCGGACAAACGGACGAGAAAGTTTGCATGCTTTGCTATTGGAAATGCTGCGTACCATGATGATACGTTGTA
TGGAGAGCTCAGGAGATCAATACCTCAGCTAGCAAATTTACTGGTATCATCCGAGGAAGACAAAACCTAAAGC
AAATGCGGCAGGTGCTAAGTAACCTTGTTGTAACCTCAACATGCTCTGTGAGGATATTGTTTCCAGAGGC
GCGATGCAGGCTTTGTTAAAGTTGGTAGCTGACTGTTGCGCAGTAGCCTTGAATCCAAGCAGAAAAGATGCA
GCTAATGAGTCTCCTCTCAAGATAGCCTTGTTTTCTTGGCAAAGATGTGCTCACACGCACCGTGCCGACAGTT
CCTTCTTTCATCAAAGCTATTTCCAGTGATCGGGCAGCTTCGACAATCCCCAGAGTCTATAATCGCCAAATATG
CATCTGTAATTGTCAGCAAGGTTGCTGAACTTGAACCTTCCACCAATCTCCTTGCCATCTCTGATAAAGCTTAC
AAGAATGCCTGAAGCTGATGCTTACAATGTAAAGGTCAGTTAGTTATATTCTTTACGTGTTTATCGAGCCCCCG
TAGTTTGAATGTATAGTTTGTATAGTATTTTTTGTGCGACTAAACAGTAGAACTCTTATACTACTATCATCAGC
CTTGATTATATCCACTTGTAGCTAAGTTTTGTACTGTGAGGAAGGGAAGACAGATTTGTAACCTAAAGTAGAA
GGCTGTTAGAGAGACTTAGTCAATTGAGGTTGTTGTTTAAATATATATCTTTTTCTTGTATGAGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1813 AF412087|Arabidopsis thaliana AT3g45210/T14D3_150 mRNA, complete cds

AACCATCTCAACTCCCCAAAATTTCAAATCCCTCCATTTCAATTCAACAAATCCAAACACAATTCAGACAGAG
GGAGTTTTTAATTCTTTTTTTTTTTTTTTCATTTTCTTTCCCTTTTGATGGCAACTGGTAAGAGTTACTTCTCT
CGCTCCAAGTTCCGGTTTCTTCCCGCCGGTGACGGACCTGACCACTGCCGTAGCGACGCCGCTTTCGATTCGA
CGAGTCCGACCTCTTCAACTCTCCGCACTCCGGAACCTCCCCGGAGTTCCGTGCTCCGGCTTCCAAATCACGAA
TCTCAAAGCGGATTTCTCCCGTCGACGTCGGAGACCGTAGCGTTACGACGGTTTCCGCCGCTCTCTGCCGGTT
AACATCCCTGATTGGTTCGAAGATTCTGAGAAACGAGTATATCGAGAATCGGAGGGATGACTTCGAGGATGAA
GACGGCGACGACGACGGCGATGAGTTCGAGGAAAAGCGATTTAGGGTTCCGCCACATGAATTTCTGGCGAA
GACGAGGATTGCTTCGTTTTCGTTTCATGAAGGAATTGGAAGAACGTTGAAAGGAAGAGATCTGAGCAGAGT
TCGAGATGCGATTTGGCAAAAACTGGATTGCAAGATTGATTTGATTGGATTGGGATTGAATTTGAACAAACA
CGAAGAACAATTATTTGAAAAACAAACAAAAAAATCTCGGAATATTCCAATAGAATATACCAATTCCTTCCA
TGAGTAAGACTTTCCATCTCTTCCACCAAAATTTTGATCCTTTCCTCTCTGTTAATTTTTCCGCCGTTTG
GCCGCCCTATCTCGGCGGTGTTTCGATCGCTCCGATCATCGTTTTTTTTTTTTCATATCTGTAATTCGGAATATT
TTGTATTTTGAATTTACGAGAAGGATAGAAATATTTTATACTTTTTTTAATTAATTAAGCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1814 BT025707|Arabidopsis thaliana At4g26060 mRNA, complete cds

TTCGTTATTTTCAAGTCTCACAACACAAACAAGGGAGTCAATTTTCTCAGCTTTTAGGAGATGAGAGATGAAG
TCGATCGTTGCTTGACGTTTAAATTTCTGCTTTGTTTAAAGGAAAGCGTGTCTTTTGTTAATTCATACGCCACT
TCCATCTCTGATCCGTCCAAAGCGAGAGAAATTGCCGTTTCCATCCATCCACTCATCTATTATCTGTTTCGGTT
AACAAAGTGGATACTGCGAATTCGAAGAGTTCATACTTTCATAAACACCAGCTTCAGCATGGATCCAAATGGA
AAAATGGACCAGACGGTGCAATTGGTGAAATCAGTCTCTGATAAGCATCTTGATCTTTTGAGGCCATCTGCCC
GAATTTGTTCAATATTCAAAGGCCAAGGAAAAGATGCTCCAGACCACATAAGGAGCAAATACACACTTCTCAG
AGATGTAGAGGATTCTCAAGTAGGGCTATATGACAAGCCTCTCCCGTGTGTTTGGCTGCGGCATAGGATGGTTT
TCTTTCCTCTGGGGTTTTTTTTTCCCACTAATGTGGTACTATGCCACGATTCTCTACTTCTGGAATGCTCGCAGA
GATCCAAGGGAACGTGCTGGATTAGCTGCGTCTGCCATTGCTGCACTTGATGTTTCGATCATCTTGTTAATTGT
GGTAGCTGTTCTCTATGATAGCTCGGCATACTTAATCTTTGCCCTTCAGTCTTGCCAATGCAATTTCAACCTG

AATAGGTTTTGTGGATGTGCAGATAAATGATTAAAGGGTCTGTTGCTGATTTGGTGATTCTGCTATTTTCC
ATTGCAAAAGAAAAAAAAAAAAATGCAAATGTTTATAAATCATATACGTATATTTTCCACCTCTTTCAAAG
AGAGTTGTCGCATTTGTAATACACAAAAGAAAACATAATACATAATTATAGATCTCTTCGATAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1815 NM_111398|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT3G05250) mRNA, complete cds

AGCTGTCGTTCACTGTAAACCCATGTCGGAGAAGTCCATGGAATTGCAGAGCGCTGCGTCAATGGAGATTAA
GACAAGCACTTCCACTTCGGACTATACGGACCCTTGCCCGATCTGCCTTGGACCCATAAATCAATCTTCCTATCT
CGACAAGTGCTTTCATAACTTTTGTACAATTGCATTGTACAATGGACCAAAGTGTTTTCTGGGAAGCGCTCCT
GCAGACTTTTCTCCATTAAATGTCCTTTATGCAAGACAGAAAGTTCATCTATAATACATGGGTTAGATGGACAC
CATTTCCAAAGACATTATGTTAATCCAGATTTCCAGGATAGCTTTATCTTATCAAAGCTCATAAGTATAGATTA
CAGTGCTACTATACTGAACCAGGTTTCTTGAATGACATATTTGATGTACAGAGGTATTGGAAGTTACAGAAGT
ATCTCCAGGCAAACCACTGGCTTGAAGTTTGGTTGAAGAGGGAACCTCAAGCTTTGATTACAGGAAGAAGATG
TTGACATAATTATGCATCACTTTGTTGGTTTAATTAATTCATTTTTTCGTAGAAATGAACCTAAGTATCAAACAG
AAACTCCTGAACTGAAGAGGAAGAGGTTTAGCCAAACGATTCTTGATGCTGCAAAGCCATTCTTTTCGGCAAG
AGCTGATCGATTATGCTCGAGTTGGAGCTATTTCTTGCTTCAGGTTTGAACATTGAAGCCTATGATTACAGTTT
ACTTGCAACGGTTGGGTTGGAACGAGCCTATAGTGCTGAGCGTGGCTAACGAAGAAGATCTTGGACTCAAAT
CTGTAACCTCATACTTGTATATCTTTGAACATGACCCTGATGATGATTAAACAAGCTCTTACGCATTTTAATTAT
TTTTGTGAAAGTAAGTCTTGGTGTATCTCCCCACCTTTCAGTACGAATATAAATTAAGTTGGGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1816 EF035040|Populus tremula x Populus alba LIM domain protein WLIM2a (WLIM2a)
mRNA, complete cds

AATCGATAAAATCTTTCTTTAATTTTTCTCTCTATTATTAATCCCAAATTCGAACATAAACTCCCACTACGCTGC
GCCAAAAAGGGGTCCAATACAATTCCTTTACTTGTTTTCTCTCTTTCTCGATTTTCTCCTTTTTTCTCTCG
ACCTTTTCCACCTTCGATTTCTCTACGATTTTGCTTCTGGGTTCTTTGTTTTGGCCCTTTTCGTTTACAGATCC
ACCGTTTTTCCAAGTTCTTATCTCAGAGAAGGGAATTTAGGTTTGAGAGTTGGGGATTGCTTGTCATCTTGTT
GGTTGGGTGAAAAAGGCTCAGATCTAATTGCAAGGGCTTAGCTATGTCTTTCATTGGCACACAACAAAAGTGC
AAGGCCTGTGAGAAGACTGTCTACCCTGTAGAGCAGCTCTCTGCTGATGGAGTTTCTACCATAAATCTTGCTT
CAAATGCAGCCACTGCAAAGGGACTCTAAAGCTGAGCAATTATTCTTCAATGGAAGGTGTTCTTTATTGTAAG
CCTCATTTTCGAGCAGCTCTTCAAAGAGACTGGCAATTTCAACAAGAATTTTCAATCACCTGCCAAGTCAGCTGA
GAAGTTAACCCAGAGCTGACTAGGTACCTAGCAAAGCTGCTGGCATGTTTTCTGGTACTCAAGACAAATGT
GCTACTTGTGGTAAACTGTCTATCCATTAGAGAAGGTAACAGTTGAAAGCCAATCCTATCACAAGTCCTGTTT
TAAGTGCTCTCATGGAGGGTGTGCTCTATCCCATCAAATATGCAGCACTAGAGGGTATTCTATATTGCAAAC
ACCACTTCTCTCAGCTTTTCAAGGAAAAGGGAAGCTACAACCACCTGATCAAGCTGCATCCATGAAGCGGTC
CGCTGCCCCAGTTCCTGAAGCTTAAAGTTCCATTCTTATATCCTCATTACGGTTTCGGACTTAACTCTCTATTTT
ACATGAATGT

>trans_s_1817 BT004664|Arabidopsis thaliana At4g15810 gene, complete cds

ATTCTCAATCCTCACTCATCACCCGCTCGTTAACTTGACGATTGGGCACCGCGAATCTTACAATAAACTCCCGAT
TGTTTCTTGAAGATCCAGTTTTTGCAGCAATGGATGGGCATGACTCTGAAGATGCAAAGCAAAGCACGGCTGA
CATGACCATTTTTGTGCAAAATCTTCTTCAACAAATGCAATCTAGGTTCCAAACCATGTCCGACTCCATTATCAC
AAAGATCGATGAGATGGGGAGCCGCATAAATGAATTGGAGCAGAGCATCAATGATCTAAAGGCCGAGATGG

GTGTCGAGGGCTCTCCGTCACCACTACCTCCATCAAAGTCAGTTGCAGATGAAGTGAAGAAAGATGAAGGTTCTGCTAGAAATAGTTGAGAGTTTCATTTTATTGATGAGTTTGTTGCAATATTCTCTTTTTGCTATTGCCTTTGTGAAGTTGAAACCAATGCTTAGAATGAAACAGAAAAGAGCAATATGATATAAACTTGGACTTGCTGTTTCTGCATGATTTCTTATTGATAATATAGTGATGATTATACTCTATGATGACTTCATACAACCTACTACTACCCATATCTGGTGAAACAGTAAACACAGCTAGTTAGCTTCGACAACGAGAAATAGCATTACAGCCACGGTCATAGGGGTTGCGCTCGGCACCTGGCTGACAGTTGTAGTAAGATGCTCCTTTGCGTGAGCATGGCACTGAGTTGGCCCTGAGTGCATCATAGCTTATGTAGTTTAAATCTGCTAATATGCGTCTGTTGATCTCAGAGTCCATCTCAAATTCAATATCTTCCTTCATACACTCTGCCATGGATCCGTGACAACGAGCATGAGCTCCACCTAGGACCCAGCTCGGGGTCGTGGCCGTGGAGGAGACCGTCAGGATAGCAACTAGTAAGAAAATTGGAAGAAGAAAAGAAACCTTGGCGGCCATTGTTGCTTTCTCTCTTGCTCTTCCCGGTAT

>trans_s_1818 NM_001073551 | *Oryza sativa Japonica Group* Os12g0560600 (Os12g0560600)
mRNA, complete cds

GAATAAACCAACGAGCAGGTGCGAAAGATCTGTTTCATTCTGAAATCACATTGAAAGTTTTGAAATAATCCATTCACCTCAATCGTTTACAACACTTCTATAAGATTTCCATCTCTTCTATTGCTTTTCCGTGTTTGTTTTCGATCGAATATTCGATTCTGCAGCGAACTTTTCTTTTTTGAACATTGAAATCATGGGGTTTGATGATTATGTCTGTTCTTTCCAGACTGAAAATAGGAAGAAGAATTTGAAGACAAAGATTCATGAGTTCTTCTTCAGTAATAACTCCAGAAGACGTTCTGGAGTCGTTGATGAATGATGGCACTATTGATTCTCTCAGGTTGAAGATCATTAACCAGCTCAAAGCCAATGAGGAGCTTAAGAATACCACCATTAAAATGGTAGAACAAAGCAAAGTCCTCAATACTCTGGGGCAGAGAAACAGACCAAAGGGGAGCTATTTGATGCTCTTCGACAGGAACCTCGAAGCACCACTACTGGAGAAAGCCTCTAAATCTGTTTGGAATTAATTTTGGACAACAATGGATTAGGCAAAGAAATAAACGACACGGTTGAAAAAGTATTTTGTGATTGAGTGGCAAGGAACCTCCATTGTTTCTCCTCAAAATGGGGATATGCCACCAGTAAAAGAACTGAGCTCGAGAAAGGCAAGGGAAAAGAACTGAAGATAATTATCACAAGGAAAAATCACAACTGTTAGGAAAAGGAGTTTCAATGACATGAATGGCAAAGAGGAAAACGCTGTTGCTGATGGAGCTGGAGAAAGTCTAGCTGTACCTGAAGAACATAGTAGGTCACCTTAGTTGAGTTTGAAGACAAAATCTAATGAACCATGCTCTATAACGACAGATCTCCCAGTTGTAGAATGTGATCATTAGTTGAGCTCTTCACTTAATCTGATGTGCATGGCCTGGGTGAACACAAAACAAATTTGACACTG

>trans_s_1819 BT025743 | *Arabidopsis thaliana* At1g67620 mRNA, complete cds

GGAAGTTGGGCTGATCCACAGACCAAGCAATCAAATCGTCGCGGAACCGGGAATTTCAAGCTCCAATCGGGAACCTCTATTTTTTACGGCGGCCATCGGGATACACTGCACCGGAGAGACCACATGTTGGCGGCGCAAAGAATTCGATCTTCATCTGCTTTCTTCCACGATTCGTTTTCTTCAACTATGGAATAGAGGCGTCTCTGTTACAGCCATGCTCTATCTTCTCCACCTCTAGCTCTCCCGACAAAAGCTTACTTGATCTTCAGGAGGTCGAGACGATTCTGAACAAGGTGAAGGCGGACGATGTCAAAGTGATACCAGTCCGTAAAGACTGTGATTGGGCTGATTACATGGTGTTCCGCCACTGGTAGGTCTACCTGGCATGTTAAGAACATCGCTCAAGCCCTAATTTACAAGGTCAAGCAAAAGCAGAAAGGTGCTAAACAGTTAGTACTTCCTAGTGTGGAAGGGCAAGAGGAAGGAAAATGGATTGTCATCGACTCTGTGTAAAGTAGTAGTTCACGCCCTCGACGAGAATGCCAGGAGTTATTACAATCTGGAGAGCCTTTGGTCCACTGAGACACCGCCTGATGATTCAGCTCAGGATCTGGACAGAGCTTTAGTGAAGATACGGCCGAAGAACAACCTCCAAGAAGAAACCAGCACAAAAACCCCTTAACAACCGAAAATTCTCTCTCAATGATCATCTCATCATCCCGTTTTTTCA TTATGTAGACTTGAGAATGTAAGGAAGAAAGAAGGAATGGTGCAGATGCTTCAGTATTTTCTGGGAATTATCCATTTTCATCTTCATCCATGAAATTATGTGAGCTTATTTACTCGTTTTTTTTCTTCAATATATATGTTTTTTACAAACAAATTAATTTAGTGTGCGAAAATTTTGAATGAAAATTGAAAGTTTCTTTTTGAGTTTAAAAAAAAAAAAA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1820 XM_002869881|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata short-chain dehydrogenase/reductase family protein, mRNA

AATAATCCCACTTATTATCGTAGAAAACTTTAGAGAATTTCACTTTTGAGTGTCATGTGATTAAAGAGAGTGAA
ATGTAGAATGTGGCGTTAAGCCAGCCATAAGTTCTTCTGATAGTTCGCCAATGGACTTCTCCTTACCATTTCTA
CTAAATTTATTGCATAGATTAGCCTCCACTTTATTCCTAACAACTTCATTAATGGATTCTGTGGCTCTGGCCGT
GGCATTTTCCTTCATCAAATCAGGTTATGAACCTTCTCCCTTTGAATCACCCAATGTTGCGCCGCTAGAACCCTCA
GATCCTTCGCTCGGAGCCCCACTTTTTCTCTCTTTCTCCCAATTGGGAAGGTGGAGTTTCAATGGTGCAAGGA
GCTTCCAGAGGAATTGGCCTCGAATTTGTTAAACATCTGCTGGAGAATAATGAAAAAGGACATGTTGTTGCTA
CATGTGCAAACTCTGGACAAGCTACAGGGCTTCTTGAGCTGAAAAACAAGTTTGATGAGCGCCTTTGCATTCT
AGAGTTGGATGTGACCAACGAAACCACCATTAAAGGCATCTGCAAAGTCTATAGAAGAAAGATATGGGTCGTT
GAATTTGCTAATTAATGCATCTGGCATTCTTTCAATTCCTAATGTACTCTACCAGAAACTACCCTGAATAAAGT
GGAGAAATCTTCTTGTTCATGCTTACGAGGTTAATGCTGTTGGTCCTATTCTAGTGATCAAGCACTTGTGGC
CTTTTCTGAAGGCAGGGGGAGGTTCTGGAACAGAAAGAGAAGTTGCTGTCGTTGCCAATATCAGTGCTCGGG
TGGGATCAATTGGAGATAACCGTCTTGGGGGTTGGCATTCTTACCGAGCTTCAAAGACAGCACTTAACCAATT
GACAAAAAAACGTGTCGGTAGAATTTGCAAGGAAGGAAAGATCCAATCATATGCATATTGTTGCATCCAGGC
ACAGTGGACACCGATCTGTCTA

>trans_s_1821 X79778|M.truncatula PR-1 mRNA

ATCATCCTCTAAAATAATAATTCCCCAATCAAATTCAGCTCTTCTCCAAAGAGCTCAATTTGAAGGAGGAGAAAA
TAAAAAATATATATAAAAAATGCATGCACATTTTCTATTATTATCCCATCGCCACTATTCTCCTCCTCTTAACCT
CCACTGGCTGCACCGCCGCAGCTCGGTCCAGGTCCGACAGAATTCTACAAAAGCAATTCCTTGGCCCTCACAA
TGCTGCCCCGATATGCCCTCCGATTGTCCCCCTTAGTTTGGGACTCCAAATTGGCTCGCTACGCTCAATGGTACG
CCAACAAGCGCCGGGGGGGACTGCGCCCTCCGCCATTCTGGGGGCCCTTATGGCGAAAACATCTTCTGGGGTA
GCGGCAATGAGTGGACTCCGGCTCAAGCCGTGGCCGATTGGGTGTCGGAGCGAAAATGGTACAGTTATTGG
GCAAATCTTGCGTTGAGGGTGAAGTATGTGGTCATTATACTCAAATTGTGTGGCGGTCCACTCGGCGGATTG
GATGTGCTAGAGTCACTTGTAACGACGGTAAAGGCGTTTTTATCACTTGCAATTATGATCCACCGGGTAATTAC
ATTGGGATGAGACCTTATTAATAATCTCTCTTTAATATCTCTCTCTATATAAGTAAAAAGACATTAATTA
TTGTATTTATTTCTAAAGGGTTAATTTGGAGTTTGTATATTATATATTTTGTGGAGTGAAATGGGAAAAAAAAA
AAAGAGAAGAAAATTGTTTGTAAGGTTGTGTTGTTTCATGTCTTTGTCATATTTTCACATGTAATTGATTGATT
TATGTGCTGTATCCCCTAATATTTATTATTAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTCTGTCCCATCAAGGAGAG
GTGTATATTTCCCCCCTCCAAATAAATTTTACATTATTAATATATACTCCTTTTTTGTTTACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1822 AY104890|Zea mays PCO071167 mRNA sequence

AAGGGGAAATTTTGATCGTAATATTTTAATCACTCAACAACCAATGTTGTGCGAGGGAAGTCCATAATATTACC
TATCTTCTTCTTCTGGATTCCCTCTGCAACTTATGGCGTTATCCTCACTCCCCATCTTCTTCTTCTCGTTTTCGT
CTTCATAATCATCCAATTTCTCATTCCTTACCCTTTATTGTACTCCATGGCATTGGAGATAAATGTTCAAATAAA
GGCATGAGGAAATTTACTAAGTACTTGAGTGATAATTCTGGTTCTAAAGGATATTGCATAGAAATTGGCAACG
GGGTTGGGATTCATGGTTTATGACACTTGAGGCGCAGTCTCAAATTGTTTGAACAAGGTGAAGAAAATGA
AGGATCTAAAAGAGGGCTTCAATTTGTTGGTCTCTCCAGGGTAACTTAATTGGTCGAGCAGTTGTGGAGTT
TTGCGATGGAGCTCCTCCGTTCAAAATTTTATTTCTTTGGGCGGTCTCATGCTGGCATATCCTCTGTTCCACT
TTGTGGTTCTGGTATTTGGTGCCTACTTGACAGACGACCTTTTGAAGTTAGCTATCTACTCAGATGTTGTACAAA
ATTCATTGGCTCCAGTGGAATTTAATAATTACCAAATGATATTCCTAACTATTTGGAGCACTGTAAATTTCTCC
CGAAGCTCAATAATGAACGTCCTGATGCCAGAACTCCACTTACAAGGAACGATTTAGCAGCTTAAAGAACTT

>trans_s_1823 HM122664|Malus x domestica NAC domain class transcription factor (NAC22)
mRNA, complete cds

>trans_s_1824 AY509995|Actinidia chinensis cultivar CK51-05 sucrose phosphate phosphatase mRNA, complete cds

>trans s_1825 EU752979|Populus tremula isolate swl77-114 aspartyl protease gene, partial cds

TCCTGTCCGACCACCGGCAACGCCGATTGCCTATTCAATCAAACATACGGCGGAGACTCATCGTTTTCCGCCAC
CTTAGTTGAAGACTCTCTCCATCTAGGTTCAACGTCATTCCCAATTTCTATTCCGGCTGCATCAGCTCCGCCTC
CGGCAGCTCCATTCCGCCGCAAGGCCTAATGGGTCTCGGCCGTGGTCCACTCTCCCTCATCTCCAATCCGGTT
CACTCTACTCCGGTATATTCTCCTACTGCCTCCCCAGTTTCAAATCCTACTACTTCTCCGGTTCACTAAAACTCGG

ACCGGTCGGTCAACCAAAAGCAATTCGAACCAACCCACTCCTCCGCAACCCACACCGGCCATCACTCTACTACG
TCAACCTAACCGGCATCAGCGTCGGTCGAGTCCTCGTCCCGATATCTCCCGAGCTTCTCGCATTTGACCCGAAC
ACCGGTGCAGGAACCATCATCGACTCAGGCACGGTAATAACTCGTTTCGTGCCACCGGTCTACACAGCGATTA
GAGACGAGTTTAGGAAGCAAGTGGGAGGTTTCGTTTTGCCTTTGGGGGCTTCGACACGTGTTTTGCAACGA
GCAATGAGGTCTCGGCACCTGCCGTAACGTTGCATTTGAGTGGATTGGATTGAGATTGCCAATGGAGAATA
GTTTGATTCATAGCAGTGCGGGTTTCGTTGGCTTGTTTGGCGATGGCGGCGGCGCCTAATAATGTGAATGCTGT
GGTGAATGTGATTGCTAATTTGCAACAACAAATCATAGGATTTTTGTTTGATATTAATAATGCTAAATTGGGGA
TTGCTCGTGAGCTTTGTAATTAACAACAATTTAGGGTTTACTTTTGGAAGATTTAAGGAAGCTATGAATAATTT
GAAAGTTGTATCATTCAATTTTAGTTAAAAGAGTATGGATAGTGGTTTATGTATCCATTTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1826 BT004613|*Arabidopsis thaliana* At5g60800 gene, complete cds

CCACAAACCCAAATTCATCTCTTCTACACGCATACCCTCAACAAATCTCCATTCCCAATCCTTACAATGGGCGAG
AAAAAGAACGATGACATCACCACCGCCGTCTTCAAGATCGATATCCACTGCGAGGGCTGCGCCAACAAGCTCA
GAAAGTCCGTCCGAGAAATCCCAGGTGTTGCCAGAGTCAGAGCAGACTGGGAGGCCAATAAGCTTACGGTG
ATCGGAAAATTTGACGCGGCTAAGCTCCGAGATAATCTCGCTGATAAAACAAAGAAGAAAATCGACATTGTGT
CATCAGAAGGCAAGAAAGAAAAGGAGTCGACGAAGAAACAGGATGATGAAAAACCGGATAAGAAAACAGA
GGACAAGAAGCAGCCGAAAGACAAAGAGATTCCGGTGACGACGGCGACGTTGAAGGTGGAACCTTCACTGCC
AGGGTTGCATCGAGAAGATTTACAAAGTTGTATCCAGAACAAGGGAGTGGAAGACATGGCGATTGAGAGA
CAAAAGGATTTAGTAATGGTGAAAGGGAAAATGGATGTGAAAGCTTTGATTGAGAATTTGGAAGAGAACT
GAAGCGGAAAGTTGCAGTGGTGGTACCCAAGAAGGATAAAGACGACGGAGCAAAGGGCGGAGACGGCGGT
GACAAGAACAAGACCGGAGGAGAGGTAGCTCAAGAGGGCGGAGCAATGGAAGGAAACCGGCTTGATTACG
TGGCAGTTCCGGTTCCGGGTTATGGATACGGGTACGGATACGGATACGGGTATGGGAATGGTGGATTGTTG
GACAACATTTGCCTCAGCCTCAACCTTTGCTTTCGCCTCAAATGTTTAGCGATGAGAATCCAAATGCTTGCTCCC
TTATGTAACAAATAATCAATATTAGTTTAGTTTATTTATTTATTTTATAGAAAAATGTAATTTCTTATTGAATTT
TGTAAACTTTATTCCATTTTCTTCTTTTAGAGTCTTTG

>trans_s_1827 AB264280|*Prunus persica* PpARF/XYL mRNA for arabinofuranosidase/xylosidase
homolog, partial cds

GGTATCCTGGTCAAGCTGGTGGTGCAGCCATTGCTGATGTTTTGTTTGGGGCTACTAATCCTGGAGGAAAATT
GCCAATGACTTGGTACCCACAAAGCTACCTAGCAAAGGTCCCAATGACAAACATGGGTCTAAGACCCGACCCA
TCAACCGGTTATCCGGGTGCAACCTACCGGTTCTACAAGGGCCCGGTTCGTATTCCCATTCCGGGTTTCGGTTAA
GCTACTCAAAATTCTCCCACTCCATAGCGGAAGCCCCAACAAAAATCTCACTTCCTCTCTCAAGTCTCTCCCCA
ATTCTCCGCCGAGTCAAAGTCTCTCACACCGACTGCGCCTCCGTGTCCGATCTCCCAATTCAGGTCGACGTG
AAGAACACCGGAACCGTCGACGGATCTCACACCATTCTCGTCTTCTCAACCGCTCCGAACCCGATCTGGTCGCC
GGAAAAGCACTTGATCGGATTCGAAAAGGTTTCATCTCATGGCCGGATCTCAGAAGCGAGTTCGAATCGGAAT
CCATGTTTGCGATCATCTCAGCCGAGTTGATGAATTCGGAACCTCGAAGAATCCGACTGGTGAGCATAAACTA
CATATTGGTGATCTCACTCATTGATTTCACTTCACGCTGATTTACAGGATATTAAATTCTGATTGATTGTGAAC
ACTGTCGTAAACCTTGATGGTGTTTTGCAATAATTTACGTTAAATTTACAGAGAAGTAATTAAGAGGTGAAT
TGAAGAATTGATTGTAAATAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCAAATAGGCTGAAGAAGAAAAT
TCGAAGTAATTGTGATTATAAGATGTTTGGTATTGAAAGTACGATCGTGCCTCAAACGCAGCAAATTTGCGAG
GGGCTGTTTATTTAGTTTTTTAAATTGTAAATTCGTTTTCTTAATGAAGGTATTATGTTATACCCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1828 AF483190|Melaleuca alternifolia isopentenyl pyrophosphate isomerase IDI2 (idi2) mRNA, complete cds

ACGCTTCATTTCAATTCTTCAACAACGTCTCTGACCCTTCTTCATCACCACCACCCTTCCATCACTTTTTAAATACT
CCTTCATCTCTCTCTCTCTCTCACGTTATTTCCCTCTTCTCCATTTTCCCCTCACATTCTCTCTCCAATCTTAACC
CCTCGCCATGGGAGATGCTCTTCTGATGCTGCCATGGACGCTGTCCAGAAGCGCCTCATGTTTCGAGGATGAG
TGCATTTTAGTGGATGAGAATGACCGTGTCTGTTGGTCATGAATCCAAGTATAATTGTCACTTGATGGAAAATA
TCGAATCTAAGAACTGGCTGCATCGTGCTTTCAGCGTCTTTTATTCAATTCCAAATATGAGTTGCTTCTTCAGC
AACGATCTGCAACAAAAGTGACATTTCCGCTTGTCTGGACGAACACTTGCTGCAGTCATCCATTGTATAGAGA
ATCTGAACCTAATTGAGGAGGATGCTCTTGGTGCAAGAAATGCTGCCAGAGGAAGCTTTTAGACGAACTCGG
TATTCCAGCTGAAGACGTCCCAGTCGAGCAGTTCAATCCCCTTGGTCGCATGCTATACAAGGCACCCTCTGATG
GCAAATGGGGGGAGCATGAATTGGACTATCTCCTCTTCAATTGTTTCGAGATGTCAATGTGAACCCAAACCCAGA
TGAAGTGGCAGACGTGAAATACGTGAACAAGGAGCAGTTGAAGGAGCTTCTAAGAAAAACAGATGCTGGAG
AAGAGGGGTTAAAGCTCTCCCCTTGGTTCAGGCTTGTGTGGACAACCTTTTGTTCAGTTGGTGGGATCATGT
GGAGAAGGGGACTCTCAAGGAAGCTGCTGACATGAAAACAATTCACAAGTTGACTTAAGAAAAGAGAAAAA
ATAGATCTCAATCTTCTTTGTTGTAGTTTATGAATCCTGTCTTCCATAGCATGAGTTTTCAATAAGATCTGAAC
TTCATCTGTGCTTCTTA

>trans_s_1829 NM_127516|Arabidopsis thaliana TET2 (TETRASPANIN2) (TET2) mRNA, complete cds

ACACTAGAAGAAGCCTGATCTGTTAGTGAAAGAGAACAATACAAAACCGATTGGCATTGCAAAATTCCCTCTT
CCAAACTCCAATTCCATGGGTTTAAGCAACAATATCACCGCAATTCTCAATTTCTAGCCCTCCTCTGCTCCATC
CCCATAATCGGCGCCGGAATTTGGCTCGCTTGAAGCCGGACAACGAATGTATCCATTTTTTCCGATGGCCGG
TGTTATCATCGGCGTCTTAATCCTCCTCGTCTCTTTAGCTGGCTTCATCGGTGCTTATTGGAACAGACAAGGG
CTTCTCGCTTTTTACCTCTTCTGTATGGCTGTTCTGATCGGTCTTGTCTAGTTCTCCTCGTTTTTACCTTCGTCGT
TACTCGCCCTGACGGAAGCTACACCGTCATGGGGAGAGGATTCAAAGAGTACCGATTGGATGGATTCTCGTC
GTGGCTTAAAAGTCATCTCACGAATTCTAGAAATTGGCCGAAGATAAGAACGTGTTTGGCGGAATCTGATGTT
TGTCTAAGCTTAATCAGCAATACTTTGCCGCCGATCAGTTTTTTCGCGCGGACATTTGCGCGCTCCAGTCAGG
GTGCTGTAAACCTCCAACAGCTTGTGGGTTTAACTTTGTGAACCCAACACTGTGGCTGAACCTGTGGATCCAA
TGGCTGACCCAGACTGCTATATTTGGAGTAATGACCAAACCCAGTTGTGCTACAATTGCAACTCTTGCAAGGCT
GGCCTCTTGGGAAATCTCAGAAGAGAATGGAGAAAGGCCAATGTGGTTCTATTGTCACTGTGGTGGTCTTG
ATTTGGGTTTATGTAATTGGCTGCAGTGCCTTCAAGAATGCACAAACAGAGGACCTCTTTCGTCGTTACAAACA
GGGATGGATCTGATCTGGTTTTCTGTCTATTCCAAAACACGACCACTCTCTATTGGTTTTTCTCTCTGTTAG
GATGTCTTAACCTGGC

>trans_s_1830 BT010645|Arabidopsis thaliana At5g25170 gene, complete cds

AAAGTAAAGAACAGTGAAACTGAAAAGGAAAAGGCACGCGGATACAGAGAAGAACAACAACAACATTC
CTCTCTCAAAAACCTCAAATTCATTTCCCTCACTTTCATTCTCAATTCATTTTTATTTTTTCACTTTT
CAAATCCCATTCTTCTTTCCCTTCCCCGATTCCCCATCTCCGCCGCTTCTTTCCTCTTCTACACCAACTGGAAG
ATATTGCCTAAAATGTTGTGTAGAATCGTCACAGTGTGAGCAGGAAAAAGATTGGTGCGGTTCCTGTTTACC
TTAATGTCTACGATTTAACGCCGATTAATGGGTATGCCTATTGGCTTGGCCTCGGTGTTTACCATTCCGGCGTA
CAAGTTCATGGAGTTGAGTACGCATTTGGAGCTCATGAGCATGCGAGTACAGGGATATTGGAAGTGAACCA
AAGCATTGTCCAGGATTCACATACAGAAAATCAATTTTAATAGGAAGAACGAATCTAAGTCTAGGGAGATTC
GATCATTCATGGAGAACTAGCCGAAGAGTATTCTGGAAATACCTATCATCTCATCACCAAAAACCTGTAACCAT
TTTTGTAACGACGTTTGTGTGATGATTGACAGGAAAACCAATCCCTAGATGGGTAAATCGTCTTGCTCGACTCG
GGTTTCTATGCAACTGTGTTCTACCGGTGGGATTGAATGAAATGAAGGTTGGTGAAGTGAAGCAGACCAGA

ACAGAGAGAAGAAGAAGCTGAGAACACAATCAAGTAGATATCCAAGTGGTTTGAATTCTGGAGCTGCAGCAA
CTCCGACCCCATTATCTTCTTCAAAAGCTTCAAATTCCATGGTTAGAAAAACAAGTAAACAAACACATTCTGCTC
CATCTTCTTCTTCTATTTTGCTCTCTTCTTTCACCTCTACTTCCCTGTGAAGCTGTAGTTTTATGATTAATTTTG
GATATTCCCCTATTAA

>trans_s_1831 XM_002863859|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata histidine triad family protein, mRNA

TCAATCAATATCCCTACTTTTTCCCTTCTCTTTTTCTTCCCCCTACTGAGGCCTAAAGCTCAATCCTTTTCTCTTTCT
CACTCTCACTCTCTACCCAGCTAGTTTTTTTAGCTCTTTCCTTTGAATTCCTATCTGGGTTTCAAATACTTTGTG
GTGCACATGGGTCTTGCTGCAGCTTTGGGACAAATTGCTGGTTGATATGGGGTTCTTGAATTGATACAGGATC
CGGAGCAAGACAGTGCTGAAAGATTTGGTGGACAATCGGGCAAGATAGCAAGAGTTTGACTGCAAGAATTTTC
TGCTTCAACTGGTCCATGGAGGCCCGAGGCTTGCCATTCTCTGTTTCGCATCTCTGCCAGTTAACTTGGGAAG
TAGCCCAGCTCCTCTCTTGAATCTTTCCTCTTCGAGCTGTGCTTCTGGATCCAAGAGTGAGCATCTAATTTATGA
TTCTCAAAGGGCAGTCTGCAAGATGACTGTGTTTTCTGCAAGATTGTACGAGGCGAGGCACCTGCTTTTAAG
CTCTATGATGATGATAGTTGCCTTTGTATATTAGACACAAGACCACTGAGTAATGGGCACTCTCTAATTATAACC
AAAATCTCATTATTCTTCGTTGGAAGCTACACCTCCTTCTGTGATAGCTGCAATGTGTTTGGAAAGTTCCCATCAT
TAGCAATGCAATAATGAAGTCTACTGGTAGTGATTCTTCAACTATTAGTTAACAATGGTGAGGCTGCTGGTC
AAGTTATATTCCATACTCACATTCACATAATTCCACGCAAGGCGAGGGATTGCTTATGGGCATCTGAGAGTTTG
GAGAGAAGAACAATAAAATTTGATGAGGAGGCATCAAGGCTTGCAAAAAGTATACAAGAAATTTTACACAGC
ACCAAAGAGAATGATAGCAAGGGTCAAGAATCAAATCTCACTGAAAATTAGTAATGGTATTAGCCTGCTGCTA
CCATTTTAGCTT

>trans_s_1832 XM_002877922|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATVAMP727, mRNA

ACGGTTAAACTGATTGAGGCTTTGGGTTCTTTATATATTTACTCTCCTTTTTCTTTCCCCCAATTTTCATGTTTTC
TTCAAACCTGATCCATCTTTCATTAGCTTCAATCTTACGTGAAGTTGACTACAGATTTCCAGTTTAAGGTTACTGC
TGCAGTTTGTGACTGCTACTACTTTGATTCTTCTCAGTTAACCGTGAGAGATGAGTCAGAAAGGCCTGATATAT
AGCTTTGTTGCTAAAGGGACTGTTGTTTTAGCAGAACACACATCATTCTCAGGGAATTTTAGTACTATTGCCGT
TCAGTGCTTACAGAGATTGCCTTCTAATAGCAGCAAATGCACATACTCATGTGATGGGCATACATTCAACTTTC
TTCTTGACAGTGGATTTGTTTTCTGGCTGTTGCCGATGAATCAGTTGGAAGGAATATGCCATTTGTATTTCTTG
AACGTGTAAAAGATGACTTTAAACAGCGGTATGGCTCAAGTATCAAGGATGAGAATCCTCACCCACTTGCAGA
TGATGAGGACGATGATGATTTATTTCTAGACCGATTCAAGTGTGCATACACTCTTGACAGAGAATTTGGGCCA
AGGCTTAAGGAGCACATGCAATATTGCATGAGCCACCCGGAAGAAATGAGTAAACTCTCCAAGCTGAAGGCT
CAAATAACAGAGGTGAAAGGAATTATGATGGATAACATCGAAAAGGTCTTAGACCGTGGTGAACGGATCGA
GCTTCTGGTGGACAAAACAGAAAACCTTACAATTTCAAGCCGATAACTTTCATCGACAAGGGAGGCAACTTCGG
CGAAAAATGTGGCTTCAGAGTTTACAAATGAAGCTGATGGTTGGTGGAGGAATCTTGGTCTTGTTCATCATAC
TTTGTTTTATTGTATGCGGTGGTTTCAAGTGTTGATTGGTAAAGTTAGTAAGAGATGAGTGTTTTCAAGTTGGC
TTGTATGGAAGGAACT

>trans_s_1833 BT008491|Arabidopsis thaliana At4g26630 gene, complete cds

TCAGAAGAAGAGAAGGAAGCAGAAGAGGATAATGACAAGGAGAATGAGAAGAATGGAACACAGAAAAAT
CTGATGAAGAAGTGTCCGAGCAGCCAGAAAGTGAAGATATCAATGACCCAACTGATGAATCTGAGGAAGAAA
GACCCAGAGCAAGTACAAAACTTCATCAAAAAAGAAGGGATCTGTGGGAAAAGCAAGAAGCAAGAAAGTT
ACAGGTTCCAATAAATCTGATTCAGCAAAATCTTCAGCAAGAAGTTAGCAGCAAGTCGTGCTAAGGTTGATG
ATATTGATGCTAGTCCAAAGGTATTCTCTAGGAAGAAGAATAGTGAGAAAGAGAACAAGGCCTCTACTCCATC
AAAATCTGCTAACAAGGAGAAACCTGGGAAAAAGGTTGTGAAAGGCAAAGATAAAACCAAGGAGGAAAAAT

CAAGGCCAAGTGATGATGAGCTCAGGGAAGCTATATGTGAAATTCTTAAAGTAGTTGACTTTACTACGGCGAC
CTTCACGGACATTCTGAAGCAGCTTGCTCGGCAATTCAAGATGGATCTCACCACACAAAAGTCATCGATAAAA
CTCATGATCCAAGAAGAGCTGACAAAAGCTGGCAGACGAAGCAGAAGACGAAGAAGATGGAGGCGAAGGCG
ATGCTGAGAAGGATGGTAAACAGGCAGCATCAGGTCGAGAGGTGGAACTTGAGTCCAAGAGTGTTGGCCC
GCCATGGGATTTGTCTAACATATATGGAAAAAGCCCTAAAAAGTTGAGTCTGTTGTAAAGGTGGATGTAATTT
ATTTGTTGGTATCATCATCATGTTTACTGCTAATGAAAAGGTTAGTGTTTTATTAGAAAACAAGGTTAGTTGTT
ACTTTATATAGGGTGTTGCAAATATTGCACCTTCTTTTTATACTGATATAAAATCTGTTGGGAATAATAATTCCA
TGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1834 AY106375|Zea mays PC0088018 mRNA sequence

ACATCAAACCTTAAATGCACCTTGTTAGAATCGATTGTTCTGTTCTTCAATCACAAGCCATTTAAATTTTAAAAGA
CAAATACCAATTCTAATGTGGAACATTCTTAGGCAAGTTTCGGATTACGTTGTTCTTCAATCCGATTTTGGTGC
GCATTGCTTCCAACCCGGTTCGATTCATTTCTTTCACCACCTTCTCCTGTATCATCGGAAAGGGAAATAAGGAG
GCATCCATTTAGGGGGGGTGGCCATATGAGAACCAGGGGATCTGGAAACAGAGGCGACCCCGATATGATC
CACAGAATCCAGGTAGAGGAGCTCGACATAGTTCAGCAGATAAGAAGAGCAGAGTAAATTGAGGCAACTAA
AGAGTAGCATTCAATTTATCAGTCCATTTTTCCGCATCAGACAGTTGGGTGTTAAGAGTTATACATAAAGTCCTC
AAGGAGACTGGTTTGCAAGCTGTATAACGTTACCATGTTGGCATATTAGTTATTATTCATTTGTGTACCAAGAA
TTTTCCAAGCAATTATTAGCACGCTTTAGATGCTGTCATATTTGTTATAGTCCTTTATTATTTTGTACTTTGTTA
CTGAATGTTGTAAAAAATCGAGTTTCTGCCCTTGGGAGTGTCGATAGATCCAAAACACAACCTCTGAAGGCA
GAATTCTTAAATGGATCTAGATCATACCTTGGGGAATGAGAAACAAAAGCATAAATATGTTTGTCTACATCA
AATAGCATTGAAGTCAGAGGCAACGCTGCTGATTAACAGTTTCAAGCTGTCTTGTAAGAGCATTTCATCA
GGATTTTCTCTGAGAATTTGTGTTTCATATTTATTTATTTATTGTATGGGCCTTGTGATGACTGGCTGATTAAAA
TGTGTTGAGCATATTTCTTTCTTTGCGTTGGTGAAATGTGTAGAGGATTGATTATCTGATATAAAGTCGAAT
TTTAGCCTGTTTTTCTTT

>trans_s_1835 NM_120224|Arabidopsis thaliana LMBR1 integral membrane family protein
(AT5G01460) mRNA, complete cds

ACCCTCAAGGAGAAAAGGCGGAGACTGCATGGGCATTGACTGTTCTTGGCTACTTGGCAAACTTGTGTTGG
GAGTTTTGGGGTTGATTGTTTCAGTGGCGTGGGTTGTACATATTGTTATATATCTGCTAATTGATCCCCATTG
TCTCCTTTTCTGAATGAAGTTTTTATCAAGCTGGATGATGTTTGGGGACTCCTTGGAAGTGCAGCATTTCATTG
TTCTGCTTCTACCTTCTTCTAGCAGTGATTGCTGGAGCCATGATGCTGGGCCTGAGACTAGTTTTTATCACAATT
CATCCGATGAAGTGGGGAGCCACGCTGATGAACTCTTTCTGTTAATGTTGGGCTTATTCTCCTCTGTTCTATC
AGCGTGATTCAAGTTTTGTTCCACGGCATTTCGATACTATGCACGAGCAACTGCGGCACAAGAAATCTTTGGAC
ACACATTGCAGTCTCTTCGCGGTATCAAATATTTGTACAAGTATAACGTGTTTCAAATAGCATTCAATGCATTG
GCGGGTTTGACTTTCGTGTATTATGCTGCCTTTGGATGGAGAAGAAAGAAGCCTTCAGGCAGGTTCCAGCTTT
CCTCGTAATTGTACGTCTCGACTCAAAAGATCAAAAACCGACAAGGCCAACAAATGCTCTCTTGTTCATCATC
CATTTTAGATTAATTTGATTTGACGGTCGATTTTGGCGGAGTTTTTCTTGGTGAATCTTGTAAGTTGGCAG
AAAACATCCAGAGTTGAGTGACTTCAATATACAAATGACATAGTGAGTGCTGCTGCTTCTTACTCGTTTGTAC
TTTTAAAAAAGGCTTTTGTATGTATTGTTTCTTTGATTTGTGTTATACATTGGCTTAGGCATGTAAATTGAA
AGATGGTTTGTCTTTGCACTCTGAAATATGGTTTTAGGAAAATGCCTTCTTTGTAGTATAGCCAATTGAGG
ATGAATAGTTGTAA

>trans_s_1836 XM_002328691|Populus trichocarpa Cl-channel clc-7, mRNA

TTCCATATTGACAACTTGTGTCTCATTTGGTCTTCCTTGGTTATCACAATGTTTACCATGCCCAACTGACTTGGA
TGATCAATGCCCAACCGTTGGTCGCTCAGGAACTACAAGAACTTCCAATGCCACCTGGCCATTATAATGATC
TTGCTTCTTTATTTTCAATACCAATGATGATGCCATCCGAAACCTGTTACATCTGCTAATGACAAGCACTTTC
AGCTCCCCTCACTATTTGTCTTCTTTGTTTCTATCTATTGTCTTGGCATTATTACTTATGGCATTGCTGTGCCTTCT
GGGCTCTTCATTCTGTTATTCTGGCCGGGGCCTCTTATGGTCGCATTGTAGGGAGATTATTTGGTTCAGTTGC
TACTCTTGATGTCAGTCTCTATGCCCTTCTCGGAGCTGCATCCTTCCTTGGTGGCACTATGAGAATGACTGTTTC
TCTCTGTGTCATACTCCTTGAGCTTACTAATAACCTTTTGATGCTCCCATTACTAATGTTGGTCTTCTAATTTCA
AAGTCGGTGGCAGATATTTTAAATAAAGGTGTCTATGATCAGATTGTGAAGATGAAAGGACTACCTTTTATGG
AAGCCCATGCAGAACCATTATGAGGCAATTGGTCGCTGGTGGTGTGGCTTCTGGTCCCTTAATTACGTTTTCT
GGGATCGAAAAGGTGCATAACATTGTCCATGCTTTGAAAATGACAAACCACAATGGGTTTCTGTAATTTATG
AACCGCCTTTCTCAGATAGTTTCAAGAGCTTTGTTGACTTGTCTGAGGTCTCATCTACTTGTGTTTCTAGAGAAA
AAAAATTTACTAAGAAAAAGGTGTCACTTAGATCAGAAATTTGGAGGGCTTCAAAGCACATGATTTTGCAAA
ACCAGGTTCTGGCAAAGGGGTGAACTGGAAGATTGGAATTCAACGAGGAGGAGCTGGAAATGTTTGTTG
ATCTTCAT

>trans_s_1837 AY048292|Arabidopsis thaliana At1g05070/T7A14_6 mRNA, complete cds

AGATTAGATTGCAATATTCTTCACTCTAAATCTCTCCAATCCCCACTTCTTTTCTTTCTTTTCTTTTCTTTT
TTTTTTCTTCTTAAATTTCAACTGTTTCAATTCACCTCTCTGCAAATCTCTCCACTTCTCCGATGGCAATTCAAC
CCACTTCTTGCAATCCCTCACTCATCAAGTTGGGATTAGCTTTGATCGCCATTACCATTGTTGGTTACATTCTCG
GCCCTCCTCTCTATTGGCACTTCAAGGAAGGTTTAGCCGTCGTTAGTCACTCTTCTGCTTCTTCTCATGCCCTC
CTTGTTTCTGCGACTGCCCTTCTCAGCCTGTCATCTCAATTCCTGAAGAATTGAGGAACTCTACATTTGCAGATT
GTGTTAAGCATGACCCAGAAGTGAGTCGAGACACGGAGAAGAACTTGCAGACCTATTGTTAGAGGAACTGA
AGTTAAAGGAAGCTGAAGCTTTGGAAAATCAACGCCGTGCCGATGTGGCTCTACTCGAGGCGAAAAAGATGA
CATCCCAGTATCAAAAAAGAAGCAGACAAGTGCAATTCTGGGATGGAACATGTGAAGAAGCGAGAGAGAGAAA
GCTGAAGCAGTATTAACGGCACAAAAGAGACTAACAGCTACGTGGGAGCAAAGGGCTCGCCAAAGGGGGATG
GAAAGAAGGCACCGCCAAATCTCGTACTCAAAAAACAAGGAAATATTCAAATGCATAAAGAGAACATCCAAA
CAGTATCACTTCTTCCATCCTGATTTTTTTGTTTTCTTATAAATATATTTTATCTTTTTTGGGTAGTAACTTAAAT
CTACTCGACGTGTCGTCAAATAGATCGAAAGTGATTATTATAGGTATGTTTAGTGAATTGAAATGTCAATTACC
ATTGTTAGTTCATCATAAGAAAACGTTCAATAGTTGAAAAGCAACTAATGAATTATTCAAAAAAAGAAAAA
AAAAA

>trans_s_1838 NM_113584|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT3G26730) mRNA, complete cds

TAAGTTGAACGATTCTACACCTGTGGGTGAGAATGGGGCTATGGATGAATCTTTAGAACTTCAACAAAACCTCG
AACGAGATTAGAGATACAAAGGACAAGGACTCGTATAATTTTTACCAGGCTACGGATGGCCAGCATATCATT
TTCATCCATTAAACATGAAGTGCTTTTACAACATTATGGGAGTTACGATAGGCTGCCACTCAGAATAAGTGGA
AAGATTTTAGAATACGAAACGGTGACTCAGACGGAGGCCACAAGAAGGCGTTATCGTTATTTAAGTCATTTTT
CCTTAACAACATCATTTCAAGCTCTGTGAAATTGATTTGACCAACCTATTGCCTTCGGTCTCCATGATTCCCTTCAT
GGATGAGATAAAGAAGCGTGAGAAGCAGAGGAATCAACTTGCAAAAAAGATGCGAAGGGGAGAAGATCAAA
GAAGAAGCTTCTCAACGTGTTCTTTGTCAATGATGGCCACTTCAGGAAGTTCATATCATCACAATACTCCAAT
CCTTTCTTTGGATGACTTTGAAGCTTTAGGAAGTTCTCCTGTGACATCATCAAGCCCTCTCTCGGAGGGAGGC
AACTGTTCTCAAGTGTTACAAGACTTGGTTTCGCTGCCGCACATGATTCTCCATCCTTGAGAATTGAGGAACT
GATTCTCTACACATTCATGAAGTGAAAAGTGATTTATCAGTTGCCAGCTCTGCAGGCACGCAGAATGCAACTC
CATCTTTTGCAAATGTAATATCGAGGGCGAAATCTGGAGGAAGTATTGAATCTCAAAGGCGAATGAAGTGG

GAAAGAAGGGGAAGAAACCAAGTCGAGTTCTGTTATCCACTGCAGGTGGTCGGCGCTATTGAATAGTTGAAA
GCGATCCTTGCGATTGTAATAGTAATGGTATTTGCAACTTCAGATGTATTTAGAACGAATATGTCCGTTTGCAT
TATCTGGCATTGATTAATC

>trans_s_1839 NM_001062088|Oryza sativa Japonica Group Os05g0414700 (Os05g0414700)
mRNA, partial cds

ATACAGAGCAGTTTTTGAGGATGGAACCTTCATTGATGGTTAAGAGGTTGCAAGAATCTCAGCGCACCGAGAA
AGAGTTCTTATCCGAGATGGCTACCTTAGGCAGTGTAACATGCAAACCTAGTTCCACTTTTGGGCTTCTGCA
TGGCTAAAAAAGAAAGGATTTTAGTCTATAAGGATATGCCGAATGGAACCTCCATGATCAGCTACATCCTGC
TGATGGCAAAGTAAAACCAATGGAATGGTCTTTAAGACTGAAAATTGGGATAAGGGCAGCCAAAGGGTTAGC
TTGGCTTCATCATAACTGCAATCCCCGGATCATCCACCGAAATATAAGCTCAAATGTATCTTGCTGGATGAAA
GGTTTGAACCAAAAATATCTGATTTTGGTCTTGCAAGGCTCATGAATCCAATTGATACTCATTTAAGTACTTTTG
TGAATGGGGAGTTTGGAGATATAGGCTATGTGGCTCCTGAGTATTCGGAACCCTGGTTGCAACTCCAAAAGG
AGATGTTTACAGTTTTGGAGTTGCTTCTTGAGCTGGTGACAGGGGAGAAACCAACTCATGTCTCAAAGCA
CCTGAAGATTTTAAAGGGAATTTGGTCAATGGATTACAAAATTGTCTGAAGAATCCAAGGTGCAGGAAGCA
CTTGATGCTACCTTGGTTGGCAAGAATGTCGACAGTGAGCTTTACAGTTTCTCAAAGTTGCACAAAGCTGTGT
TGTGCCAACGGCAAAGGAGAGACCTACCATGTTTGAAGTATATCAGCTTCTAAGAGCCATAGGAGAAGGGTA
CAACTTCACTAGTCAAGATGAGATAATGATGCCTACAACTCCGAATGCGAGACTGGCCTCGAGGAACTAATA
GTCGCTCATTGAGTATAGGAAATTCGACGTGAAAGAACATGTCATTGCAAACAAATGTATGGAGAAGGATGG
ATAAACTTGGCTGTAGAAAGAAC

>trans_s_1840 DQ822469|Medicago truncatula NADP-thioredoxin reductase C mRNA, complete
cds

AGAGTGTTCAACTGCCCAAATGTTACCTTGCACTTTAACACGGAGGCTGTGGACATTGTCAGCAATACAAAAG
GGCAAATGTCTGGCGTTTTAGTTCGAAAAGCTGACACTGGGGAAGAATCTGTGCTTGAGGCAAAGGGTTTAT
TTTATGGAATAGGTCATCTGCCGAACAGCCAGTTACTGAAAGGCCAGGTTGAGCTTGATAGCTCTGGGTATGT
GTTAGTGCAAGATGGTACTGCAAAAACCTCTGTGGAAGGTGTATTTGAGCTGGAGATGTGCAGGATCATGA
GTGGAGGCAAGCTATAACTGCTGCTGGTTCAGGATGCGTAGCTGCTTTATCAGTTGAACGCTATCTTGTGAAC
GAGAATCTTCTTATTGAGTTCCACCAGCCACTAACTGAAGAGGTTCAGAAGAAGGAACCAACGGACAGAGAC
GTTCAAGAAGGTTTTGACATCACTCTTACAAAGCATAAAGGACAGTATGCTCTTCGGAACTATACCATGAAA
GCCCCAGGCTTATATGTGTACTATACACATCACCAACGTGTGGCCCATGTAGGACTCTGAAGCCAATTCTCAGC
AAGGTGATAGATGAATTTGATCAAAGTGTGCATTTTGTGAAATTGATATTGAGGAAGACCAAGAAATAGCA
GAAGCAGCTGGGATTATGGGTACTCCATGCGTGCAAGTCTTCAAAAATAAGGAGATGATCAGGAATATTCCTG
GAGTCAAAATGAAGAGCGAGTACAGAGAATTTATCGAGTCAAAACAAATGAGGTTATTAAGTTCAATGCCCTC
TTCTTCTGCCTTCAATTTTGTTCATTTGTATTAATTAATAAGCCAAGTGGAAGGGAATTTCTTTTAGAATATTT
CATGTCTGTAAACATTCAAATTTTACACTGTAGATTTTAGATACAGAGTTGAAAAAAGGGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1841 NM_119741|Arabidopsis thaliana Rho-GTPase-activating protein-related
(AT4G35750) mRNA, complete cds

AACTTTTCATTATGAACTGCTCTTCTTCTCTCTCCGACCAACTTCACCTCCTTGGTAAAGTCGAGGTTTTAG
ACTCCATGGTCGTGATAAGGCTGGCAGGAATGTCCTCCTCATTGTCGGAAAATACTTTCCAGCGCGGTTTGTA
AGCAGTCAGGCCGTGAATGTCTATTTGAAGGACAAGATTTCCCTCTCCTTAAAGATGGGCCTTTCACGGTGG
TGTACATTCACACTGATGTTCAATTGGACAGAGAATTGTCCTGGAATTTCAAATCTCAAGGCAATCTATGAGGCC

ATTCCAATCACCATTAAGAACAACATTGAAGCTGTTTATTTCTCCACCCTAGCTTGCAAACCCGTGTGTTTTT
GCCACCGTCGGCCGCCTCATGCTTGACGCCGAGTTGTATAACAAGGTGAAATATGTGAAAAGAGTGGAGTTT
CTTTGGGAACACGTTAGAAGGAAAGAGATGGAGTTACCTAAGTTTGTGTATGATCATGATGAGAAATTGGAG
TTCTGTCCTGTGATGGACTCTGATTTGGAGAATGATTATCTCAGGGTTTTCTCCCCTTCGCCGTCTTTGAATTCT
GGGGTGTCTACGTATTCATGAGGTGTTTTGCTTGATGAAATGAAGACTCAAAGATGGGGTTGGGGATACAG
GGGTCTTTTTTGTTTTGTTGTAGGAGTTTTTTCTTTTTTTTTCTCTTTGGTAGTAATGGCAGAAAAATTG
CTAAGTGTGTAGACTTTCTGTAGTAGGCAAAGGGAAAAAGGTTAATGGGCTTTCCTTGTGAAGAAAGGAAG
AGTTAATACTTCACAGGAAAAGCAGTGAATAGGTTAAATGAAGTTACTCTGTAATAAAATATATGTTTCATGG
CATATTTGAAAATGGCATGTACTGAAATATAAATAAAATGAACAGGTTTAACTTTTGACCACAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1842 AB236122 | Pisum sativum coxVb mRNA for cytochrome c oxidase subunit Vb,
complete cds, note: PscoxVb-1

ATTTACGTATTTCTCCATTACCAAAAAGAGGCCGCTAAAGAAGAGAAACAAATTGATTGAACAAAGAAAAGCT
AACCAGTTCGCCGAGAAATCACCAACCATGTGGAGGAGATTGCTCTCTTGCACCTCAATGCCCTAAACGTC
TTCCTTCATCATCGACGGCAGCATCTGCTGCTCCATCCGGATCCATTTCCACAGCCTCACGACTTGCTGTTGCTG
CTTCATCTCGTGTCTTCCCTCACCTTGCCTTCGCTCTTCGCTCGCCATTTACGCGCTGAGGCTGCTGTTGATG
CTGGTCTGCGAAAGAATGTTGAGGATGTAATGCCGATTGCAACCGGTACGAGCGTGAAGAGCTTGAAGCTA
CGCTTGAGGGAAGAGACATCCTTGATATAAAACAACCTGTAGGTCCTTTGGCACTAAGGAAGCTCCTGCTGT
TATAAAGTCATATTACGATGAAAGAATAGTTGGGTGCCCTGGAGGTGAAGGCGAGGATGAGCATGATGTTAT
CTGGTTTCGGCTGAGGAAAGGCGAGCCACTTGAATGCCCTGTGTGCACGCAGTATTTTCGCGCTGGAAGTAGT
TGGACCTGGAGGATCGCCAGATGGTTATGGAGATGACGACGATCACCATCACTGATTGCATACATTTTTCTA
GAATAAACTGGTACTTTTAAAGAAAGAGAATTCAAGCTGTGTGTATTTCGCAGTTGTTGCTTCAGCAACAATAG
AAATCTGAGTTTTTCCCTGTCAATTAGAGATAGAACGGGTGTCTTCCTTGAAGATACAAATCCTTTTAGGC
TTTTTTTTATGTGTTACCAAATAATTGGAGGCTTCTTGATTCTTTACCATGACCCAAGTGGTAGTACAATAATA
ACACACACCCCTTTTGATATTAATAGATAATTTGAGAACTTGCTAAATTCATTCTCTTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1843 NM_179221 | Arabidopsis thaliana RIN2 (RPM1 INTERACTING PROTEIN 2); protein
binding / ubiquitin-protein ligase/ zinc ion binding (RIN2) mRNA, complete cds

TGTGATGAGCAGCTCGCTCGTCAGATAAGTGCAGGTCTTAATCGACAGAATCGCTACTATACCGACCCTCCCT
ACAGGGATTTTCCCAATCAGACACAGAATCCGGTTCGAAGGCAGTCCTTGGAGAAGCACAAAGTCTTGATCCA
AGTTGGTTGCATGACTGGACCAGCCAGAGCATGGATGGAGCTGGTCCATCGAATGCTGCTAGATCAGTTGGA
TTAGGTAGAGTTCAGATGATGATGAGACATCTTGCATCTGTTGGTGAACTTATGCCAGACATCAATTGAAG
ATTCTGCTTGGAGCCTTTGGCCTCTTAATCCATCACAGGTTGTTGCTGGTGGTTCACAAGTTCCTCGAAATGTT
GTTGGAAGACATCCTGGTAGTATGGGTGGTTAAATATGAATGTAGCTCGTGCCTCAAATGAAAATCTAGCCA
ATATACTTGCCATGGCTGAGACAGTTTCGAGAAGTTCTACCTCATGTCCCGATGAGTTGATTTTTCAGGACTTG
CAGCGTACAAATCTGTACAGTCACTGTGAATAATCTTCTCAAATGTGACTGTCATGCCAGTGACATCCTTG
TTTGCTTGTGCTTCATAAGATCTTTTCAGATCCTACCCTTCCCCGTAGCTAAAGCTCAAGGAGGATAGGTAA
GGTAATCACATCGTTAAATTAAGACATACAATTTCTTTTCATCTTTCTTTATCTCTGCATTCCATCATAAAAATT
TCTCCTTTTAAATATTAACATATATATGATTTCAAGTAGCCAATTGTATCCAGCTCTGTTTCAAGAGAAAAAG
TGTGAAAACTCTCATTTTATTTCTTGAGATGCAGATTGCAGATCACTGCATTCCCGACCCAACTACTGTGTAT
TTGTGTACATTACTTTGCAAAAACCTCCATAATAAATGGAGTAGTTGGCTATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_1844 AM931440|Arabidopsis thaliana mRNA for adenine nucleotide transporter ADNT1 (At4g01100 gene), ecotype landsberg erecta

TTCCATACGTAGGTCTTAACCTTTGCTGTGTATGAATCACTTAAAGATTGGTTAATTAATAAAATAAACCATTCGGA
CTTGTTGAAGATTCAAGAGCTCAGTGTGACAACACGCCTAGCATGTGGAGCTGCTGCTGGAACAGTTGGTCAAA
CTGTTGCCTATCCTCTTGATGTCATTCGTAGAGAAGTGCAGATGGTGGGCTGGAATAATGCTGCTTCTGTAGTC
ACTGGTGATGGAAGAAGTAAGGCACCCCTCGAGTACACTGGCATGGTTGACGCTTTTAGAAAAACAGTTCGTT
ATGAAGGCTTTAGTGCATTGTATAAGGGCTTGGTCCCAACTCAGTGAAGGTCGTCCCATCAATCGCAATTGC
ATTTGTGACGTACGAAATGGTGAAGGACGTTTTAGGAGTCGAGATTAGGATCTCAGACTGATTATTGGGTACT
AACTTACATTTGTTGGACGGTCTGCTATTTTTGTAGGCAAGGGGGGATGGCAAAGTAGGATGTTTTAATTAT
CCTCTCTCCAAGAACTAGTTTAAGGCTGTATTGAGTGTGTTTTAGAATTTGCTTCCCTGACTTTAAATATCTTTCT
ACAAACCTGTGCTGGCATAAGCTTTTATTCTTGCTATGTCAATAAATGTTTTGACGATAGAATAAGCACATT
TGGATTCTCCTTTAGATTTGGGAGAGCAGAGCTTTTATTGGATCTAGTTTTCATTTTTCTTGCTATTCATCACC
ATTATATACCAAGTTTGTCTTGCATATTCTTCAGTGAACAATGCTTATAATCGAGATAGCTGAATTTTTCGTGTC
ACTGTTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACCTTATCA
ATCCCCCAACCCCGG

>trans_s_1845 AY224188|Medicago truncatula adenosylhomocysteinase (AHC1) gene, complete cds

ATCAAAAGTCAGAACGACAACATGAGAAGAAGAATCTCAAGCAAGCCAATGTCTTTACAACCTTGCTTTCTTCT
TCTTCTTCTCTTTCTCTTCTCTCAAGATCTTGTCTTGTTCGAGCTTCTCGACGCATTCTTGCAATGGCTCCA
TAGCTGAGTGTGGTAGCGAGGACGAGATTTTATGAGTGGAGTCGGAGATAAGCCGAAGGTTTCTCGCTCAACAAA
AGAAATACATCTCCATTGGAGCTTTGAAGAAGGATCACCCAGCTTGCAGCGGCGCTAGTGGTGGCCGACCTTA
CACCAAAAGTGGGAGTTGTGCTCCACCACCGGCTAATCCTTACGATCGAGGTTGCCCTAAGATATATCGTTGT
AGGTCTGATGATTGAGGGTTTATCAAAACCATATATGCTTGGTAGAATTTCTTCCCTTTTTTTTGTCTTTTTTC
TTCCTTTTTTCTTTTTTCTTTTCTGTGTGTTATTGTTAGGGAGGAGTATGATAGACCGAGAGATTGATCAACCGA
CCAAACCAAGTGAAACCAAGGTGGTGGTGGTTCGGAAAAATCCAAACCAAGTTTTTTTAAATCTTCA
AATGCTTAAACCAATAGTCAACCAACCAATGATCAATTTGTACTTCTTCGTGGTTTAGGTCGATTTGAACATTTA
TTCAACCAACCAACTCTGACCAATGGCCACCCTAGTTCTCGTTGATTGATGAAGAGGTTTAATTATGAAATGAA
TGGAATTTTTCTTTTTCTTTGTGATCTCTTTCTTTAGGAGATGATCTCATATTAGTTTCTGGAAAATAAAAAAGA
GATGAGAAATGTTAGACATGTTTGGTTGGATATCATGTTGTCCAGGATGTAAAGTGTGAGAATCACATCATAC
CTAATTTTATCTTATGTTGGGATTTATTCATTTTAACTACTTTTTCTTCTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1846 NM_001072044|Oryza sativa Japonica Group Os10g0580300 (Os10g0580300)
mRNA, complete cds

ACTCTACACGCTTGCCCTTCTCCTCTCCTCATGATTTTCTCTCTCTGCTGAAGAATTTCTAGCAAAATGGTCT
CGACGACGGCCCTAGCTTAATCTCCACCCTCCATGGGAGACGGCAATAACTCCAACAGAGGCCTTGCTCCGC
CAACGCCGCCAGCCGGAACAACAACAACAACAATAACGGCAGCCACCACAAGAAGCCCGAGTGGCTGCA
GCAGTACGATCTAATCGGAAGATCGGCGAGGGAACCTATGGCCTCGTGTTCTTGCCAAAATCAAACCCCT
TCACCTAGTCGCGCAAGTCAATTGCTATAAAAAAATTCAAGCAATCCAAGGACGGTGACGGGGTCTCCCCAA
CTGCCATTCGAGAAATTATGCTACTGCGGGAAATTTACACGAGAATGTCGTCAAGCTTGTAATGTTTCATATC
AACCATGCAGATATGTCGTTGTATCTAGCTTTTGATTATGCTGAACATGATCTCTACGAAATCATTAGACATCAT
CGGGACAAGGCTAACCATCCCCTTAATCAGTATACCGTTAAATCCTTGCTCTGGCAACTTCTCAATGGTTTGAA

TTATCTCCATAGTAACTGGATTATTCACCGCGATTTAAAGCCGTCAAATATTTTGGTTATGGGTGAAGGAGAAG
AGCAAGGAGTGGTTAAAATAGCTGATTTTGGACTTGCAAGAATATACCAAGCTCCCTTGAAGCCATTATTTGA
AAAGGGAGTGGTTGTCAACATTTGGTATAGAGCACCTGAACTTCTCCTTGGAGCAAAGCACTACACTAGTGCT
GTTGATATGTGGGCTGGTGGATGCATTTTTGCTGAGCTTTTGACGTTGAAGCCATTATTTCAAGGTCAAGAAG
TCAAAGGGCCTCCGAATCCTTCCAGCTTGATCAACCCGACAAGATTTTTAAGGTTTTAGGGCATCCCACGATT
GAGAAATGGGCAAC

>trans_s_1847 DQ223010|Glycine max chloroplast lipocalin (CHL) mRNA, complete cds; nuclear
gene for chloroplast product

GCAATCTGCTCTTAGAAAAGCTTGTGTCCCAGCATGTGCTCTCTGGATTGCTGCTTCATTGATATTTCTCACTCA
AACAAACCAGGCTATCTCAGTAGACATACCTCGCCACGAAAACCTTGTGTCAGCTTGCAAATGCAGAGAATGCT
GCAAGCCTTCCTTTGTCAATGATTCTGATGGAGGGGGCAGGTTGATGATGATGAGAGGGATGACAGCCAAA
AATTTTGGTCCTGTTTCGATACTCAGGAAGATGGTTCGAAGTTGCATCACTTAAAAGAGGATTTGCTGGCCAAG
GTCAGGAAGACTGCCACTGCACCCAGGGTGTTCACACATTTGATATGGCGACACCAGCAATTCAGTAGATAC
CTTTTGTGTTTCATGGAAGCCCCAACGGATATATAACTGGGATAAGAGGAAGAGTTCAGTGTCTTGCAGAGGA
AGATTTACAGAAAAACGCAACTGAGCTGGAGAAGCAGGAGATGATCAAGGAGAAATGTTACCTGCGTTTTCC
TACATTGCCATTTATCCCTAAGGAGCCATATGATGTCATTGCAACTGATTATGACAACCTTGCTATAGTTTCTGG
AGCCAAAGACCTTAGCTTTGTTTCAGATCTACTCAAGAACGCCAAACCCGGGACGTGATTTTCATAGAGAAGTAT
AAATCATACTTGGCGAACTTCGGGTACGATCCAAGCAAAATCAAGGACACACCTCAAGATTGTGAAGTAATGT
CAAATAGCCAGCTAGCTGCAATGATGTCAATGAGTGGAAATGCAACAGGCTTTGACAAATCAGTTTCCAGATTT
AGGGCTAAAGGCTCCTATTGAACTCAACCCTTTCACAAGTGTATTTGATACTTTCAAAAAGCTACTAGAAGTCT
ATTTCAAGTAGTGGTTCTGCTGTGCTATCCGTGTTGTTGAGCACGCTGATTTAATCGCTAATTAATGCTTTATTT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1848 FJ362591|Vernicia fordii 60s ribosome protein L19 (RPL19B) mRNA, complete cds

AGGCAACTCCCTTTCTCCTTCATAAGCTTATCTTCTCCAAGTCTAGCGGCCGGGAAGGTGCAACAAAGAAACAAT
GGTTTCGCTCAAGCTCCAGAAGAGGCTCGCCGCCAGCGTCTCAAATGCGGGAGAGGCAAGGTCTGGCTTGA
TCCCAATGAGGTCAACGAAATCTCCATGGCCAATTCCCGTCAAAATATAAGGAAGTTGGTGAAGGATGGTTTC
ATCATCAGGAAGCCAACCAAGATCCACTCTCGTTCTCGAGCACGTCGCATGAAGGAGGCCAAGAGAAAGGGT
CGCCATTCTGGATATGGTAAGCGTAGGGGTACTAGGGAGGCAAGATTGCCAACCAAGGTCTCTGGATGAGG
AGAATGCGTGTACTTAGGAGATTACTCCGCAAATATAGAGAATCTAAGAAGATTGACAAGCACATGTATCATG
ATATGTACATGAAAGTAAAGGGTAATGTCTTTAAGAATAAGCGTGTGCTAATGGAGAGCATCCACAAGTCAA
AGGCCGAGAAGGCAAGAGAGAAGACATTGTCAGATCAATTTGAAGCCAAGAGGGGCTAAGAACAAAGCCAGC
CGGGAAAGGAAAATTGCTCGGAGGGGAGGAACGATTGGCACAGGGACCTGGAGAAAAACAACCACCGGTGA
CATCGGCAGCCCAACCTGCTGCTGTGTCTCAATCTACTCAGGCGTCGAAGAAATCAAAGAAGTGAGATTTTTA
CAAAAGGAGTTTCTTAGGAAGGTTTACTTCTGATGTTTCTCTGCTCCTCATTATTCTAGAGTAGTTTTCAGGAG
GCTTTTTTGCAGCCTTTTGTCACTTTTGGACCTTGTGCTTCATATCCAAGACCAAGGGATTTTAAGCCTGGTA
ATTTTGTTAGTCTATGTTTCATTGCGTTTTTTGTCAACCAAGGTTGCTTAATGGAAATTATTTGAGAGTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1849 BT025763|Arabidopsis thaliana At1g10140 mRNA, complete cds

TCCCCACCTGCTCGGTCCCATCCCCAATTTCTCCAAATCAGTGTGCTTTCAATTCCCCCTTTTTCTTCTGATT
TCGTTTCTCAAACCTGATTTATTCGATCCATCGATCAAATTCGATTCCGAGCTGATTCCCTCCCCTGTAATCAAC
CGTTTCTGCTTCAAATCTCTTTCAGTCATTTTCATCGAACACTTTGGTGGGCTTCCGAAATGAGAACCAAAAAA

GCACAAAATCAAAACAAATTCATGCGATTGTTACACTACCCATCAGAGCTCTAGGGAAAGCCAAGGATTCT
ATGTAAAAAGCATCATGGATTGTGCACCCAGAGTGTCTCATGGCTACCCATCTGGCCAATTGCCCATCTTGCCC
AAAAGCTACAGCTCTCGCTCTTGACAGATCCAATGAAACCGACGATTTAGAGAGCTTGTTAAGGCCGCCTCCG
TTAGAAGCTTGACATTAAAGATATCGATGCTGATATTCTTTATCCACAGAGGCTAAGACAATCCAAAGGATT
GCCTAAAAGTTGACGTGTCGGAATGGGTAGGATTGATGAGGATACTGCTTGTGAATTTGAAGAAAGCGTTGA
AGATAAAGCTGATTTGGTTTATCCAAGAAGTAAAAGCTACGCTGTGACTAATTCAAAATCTGGGTTTTGATTCC
CACTGTTCTTCAAAATATTCCCAAATAATTCAAAATCTTCTTTGAATAAATTGGGAAGCAAAAAGGAGGAATT
TTCTTGAGACCTCGATCATGCTGTTCTTCTGTCCATGTAAATATTATTATAACTTTTACCATTGACCCAA
GTCATTTTTGACTAAGTAGCCAAAATATTGAAAATAAATTCCTCGATTCTTGTTTTGTTGGAACATTTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_1850 XM_002881793|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata bZIP transcription factor family
protein, mRNA

TTCAATTTGTTTTCTTTCAGTTTTCTTATTATTCTTGTGTGTTTTGTTTTCGAGGTTTTGGCTGTGCTATGGC
ACAGTTACCACCTAAGATCCCGAATATGGCTTCTAATTGGCCTGAACCTTCCCGTCAGAAAATCCCTTCCACGG
AACTTTTGCACCTACCACCTACACCACCGGTTACTCAACAAAATAATCCTTCTTGGGTTGATGAATTCCTTG
ATTTCTTCCGCTAGACGTGGATCACATCGTCGGTCTGTTAGTGATTCCATCACATTTCTTGAAATGCCAATGC
TGGAGGATGATTGTCGTGCCTCCGCTGCACCCCCACCGCCGTCCACGGCAGCCGGTGACAGGAATGAATTTG
ATAGATTTGATGACGAGCAATTCCTGTGATGTTTAATGACGAAATCTCCGCTGCTGTTGCACCAACTTTGTGCG
TCCTCGAACCTTCCACGCCGTCTGATCATAACAGTATTAACGATGAGAAAGATGCGCAAAACGATGGGAAG
GTAAATCAGAATAAAAATGAACCCGACGAAGTACAGAGCCCGCAGCATTCGAAAATCAAATCAATCCAATT
CAACGGCGACGGCGGGTTCCACTGATCGGATAACAGACCCAAAAAGAGTCAAAGAATTCTGGCAAAATCGGC
AATCAGCACAAAGATCACGAGTGAGGAAGCTTCAATACATATCAGAACTTGAACGAAGCGTTACATCATTACA
GGCTGAAGTATCGGTGTTGTGCGCCGCGAGTGGCGTTTTTGGACCATCAGAGATTGCTTCTTAACGTCGACAAC
AGTGCTCTGAAGCAAAGAATCGCCGCCCTTGACAGGATAAGATTTTAAAGATGCTCATCAAGAGGCATTAA
AAAGGGGAGATAGAGAGACTGAGACAAGTATATACCAACAAAATATCAAGAAAATGGAAAATGCATCACCC
ATCACAGCAATAA

>trans_s_1851 AF410323|Arabidopsis thaliana AT4g26670/F10M23_10 mRNA, complete cds

ATAAGCAAACGGTTAACGGAGAGTGGTGTGAGAAACCAAAGCGATTGTGCTATCCGTTCAACAAAAGAAAG
CAAAAATCTTTTGAGATTTTGGATTGCGGAGATTGAGTTTGGAAAAAGGGTTTATTGATTAGCTGAGAGTGA
AGAAGATAGAGAGAATCGACGACAGCCATGGCGGATTCTTCTAAGGACGTTTCATCTGATGCTGACAACCTCC
AGACCAATTCCTCTGACAGCCCTAATTCCTCCGATGCCATTGTTCTTCCCCCCTTTCACTGGCCCTGCTCTTG
TCTTTTAGGTTTGCCGGTGACTCCGCTGCCGGTGCCTTCATGGGCTCCGTTTTCGGCTATGGTTCAGGATTAA
TTAAGAAGAAGGGCTTTAAAGGATCATTTGCTGAGGCTGGATCTTGTGCGAAGACATTTGCAGTTTTGTCTGG
GGTACACAGTTTGGTGGTTTGCATGTTAAAGAGGCTGAGAGGAAAGGATGATGTTATTAATGCTGGAGTAGC
TGGATGCTGCACTGGTTTAGCTCTAAGTTTTCCAGGTGCTCCACAAGCTCTTCTCAGAGTTGTATTACTTTTG
AGCATTTTCGTTTATACTAGAAGGCCTTAATAAGCAGCAACCAGCATTGGCTCATCCCGTTTTCTCAAGAACGA
GAAGCAACATAGAGCGGAATTGTCCCCGTTGGTTTTGCCACTTCAGTTTGCACTTCCAGTTGAACTAAAAGGT
GCGTTTTCTGCATTCTGCAAGTCCTTGGAGAAGAGTAGAAAGAGCAGCTGGTAATGTCCACAATTCTTAACAT
CTTTGACCAACTTCATTACTGCAAATTTGTTGCCTAATGTTTGAAAGAGTTTGTTGCAATTTGAGTTGGAAATG
AATCTGTTCTGTTCTGTTCTTTTTTGGCTGGAATGTAAGTGTGAAGTTTGGATGGTTTATTGGAGCAATGTT
AGCTATTTA

>trans_s_1852 AP009374|*Lepidium virginicum* chloroplast DNA, complete sequence

ATGAAAAACACCCGATCCCATTCGACCTCGATATGTGAAATCGTCTTGCGCCATATGTACTGAGATTGTTTCGG
GAGACATGGTCCAAGCCCGCTGAAAGAATAGACTAAATATTAATCCTTCGCCAAGATAATCCCCTCAAAGG
GGAGGTCCGTAGCATAGTTTTTTTTTCAGTGCAATAAAGTTACATAGTGTCTATTTTTCTTGATAAAGGGGTA
TTTCCATGGGTTTGCTTGGTATCGTGTTTCATACCGTTGTATTGAATGATCCCGGTCGTTTGCTTTCTGTTTCATA
TAATGCATACAGCTCTAGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCAATGGCCCTATACGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCT
GATCCTGTTCTTGATCCAATGTGGAGACAGGGTATGTTGCTTATACCTTCATGACTCGTTTAGGAATAACCAA
TTCATGGGGGGGTTGGAGTATCACAGGAGGGGACTATAACGAATCCGGGTATTTGGAGTTACGAAGGTGTGG
CCGGAGCACATATTGTGTTTTCTGGATTGTGCTTCTTAGCAGCTATCTGGCATTGGGTGTATTGGGATCTAGAA
ATATTTTGTGATGTAATTCCCACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTGCAGACGACTTACCGCATATCACTTTGCG
GGTACTGTCATAGGTTATCTTACAAAAGTATAGACCTTCTGATGAAGTGTGAACGTGAACCTCTTTTTCTTT
TCGCCAGGTTTCATTGATTTGTTGTGGATTGGATGATGGAAAAACCAGCAAGCCGCTTGACCTTTCATACGA
GGTCAAGGGTCAAAGAATTTGAGTTGTGAAAAGGTTGGAAGATCTGGCCAAAGAAGGTGATAGGGGTGTAG
ATTCGTTCCCATGGTTCGATCCTTCCAGTCAAACGCGCGTGTTCGAATTCTGATCGCTTTACGCGAGCCCTT
TTTCAACAAA

>trans_s_1853 AF139468|*Vigna radiata* photosystem I reaction center subunit III (CipPsaF) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ACCACTAATCTCATGATCCTCTCTGAATCTAAAACCGTTCCTCCACACTCTTTTTCCAAATCTCCTTCTTCTTCT
CCTGCAATTCCTAATCCTTCAAACCCATTTCAACAATGTCTCTCACAATCCCCACTAACCTCTCAAACCCCTCT
TGAAGCCCAAATTGAGCTCCCCATTGGCCTTAAAGCCAAAACCTCTTCATCCATCCTCTGCTCCGCCTTCCAA
ATCAAAATCAAAGTCAAACCCCTCTCCTCTCTTCAAGCCTTCTCCGCTGCCTTGCTCTCTCCTCCATCCTCCT
CTCCGCTCCTCTCCCCGCCGTCGCCGACATCTCCGGTCTCACCCCTGCAAGGAATCCAAGCAATTCGCCAAGA
GGGAGAAGCAGCAGATCAAGAACTTGAGTCTGCTTTGAAGAACTACGCCCCGGATAGCGCCCCGGCGCTTG
CCATCAAAGCCACGATCGAAAAGACCAAGAGGCGATTTGCCTTCTATGGGAAACAAGGGCTTCTTTGTGGGG
CTGATGGGTTGCCTCATTTGATTGTGAGTGGTGACCAGAGGCATTGGGGTGAGTTCATTACTCCTGGATTCTT
GTTCTTTACATTGCTGGGTGGATTGGATGGGTTGGAAGGAGCTACTTAATCGCCATTAGGAATGAAAAGAA
ACCTACCCAAAAGGAGATTATCATTGATGTTCCGTTGGCCACTAGTTTGGTGTTTAGAGGCTTCAGCTGGCCTG
TTGCTGCTTACAGAGAGCTTGCAATGGTGAACCTATTGCCAAGGATGTCTAATTCTTCTCCTTCAGAGATAGG
GAAAGTTGAAGAGGAATTGAGTTTTGGAGGATATGGAGGGGAATGGAATGGGGTTTGTGAAATATTTGTGT
ATTTAATTTGGAACTTGAGATGAGTATATGTAATGGTTGGTTTGTGTTGGATATAAGGGCAATCCATTCTTT
CACTTCC

>trans_s_1854 AF108896|*Capsicum annuum* GTP-binding protein mRNA, complete cds

TGAAACGCGAGTGAATTTGCTAGGGTTTAAACACTTGGGTTGGGCTTCGGCAATGCCATCATAACATAAGGG
AAACAACACAGAGCCCTCCTCTTCAGCTGCTCACTTTCTTCTCTAAATCCGGCACAGAAGTTCAGCAGCTACCC
TATACCACCCATTTCTTTTCCACTCACTATCGCCAATGCCTCCTAAAGCTTCGAAATCCAAGGAAGCTCCAGCT
GAACGACCTATACTTGGCCGTTTTTCTTCCCATCTCAAGATTGGAATTGTTGGATTGCCAAATGTTGGCAAATC
TACTCTTTTCAACACACTTACAAAGCTGTCAATACCTGCTGAAAATTTCCCTTTTTGTACTATTGAACCTAATGA
AGCCAGAGTAAATGTGCCTGATGAACGCTTTGAATGGCTCTGCACTTATACAAACCTAAAAGCGAGGTTTCG
GCATTTCTAGAAATCCATGACATTGCTGGGCTGGTTTCAGAGGAGCTCATGAAGGACAGGGGTTGGGCAATAGT
TTCTTATCGCACATCCGTGCTGTTGATGGCATTTCATGTTTTACGTGCATTTGAGGATGCAGATATTATTCAT
GTTGACGATACAGTGGATCCTGTTAGGGATTTAGAGGTTATCAGCGAAGAACTGCGTTTGAAGGATATTGAAT
TTATAAAAAATAAAATTGAGGATCTTGAGAAGAGCATGAAGAGAAGCAATGACAAGCAGTTGAAGATTGAAC

TTGAATGCTGCCAAAAGGTCAAGGCATCGCTTGAGGAAGGTAAAGATGTTCGTTTAGGTGATTGGAAAGCTG
CTGATGTTGAGATTCTCAATACTTTTCAGTTGCTCACGGCCAAGCCTGTTGTTTACTTGGTGAACATGACGGAG
AAAGATTACCAAAAAAAGAAGAATAAATTTCTTCCAAAGATTCATGCTTGGGTGCAAGAACATGGTGGTGAA
ACGATTATTCCTTT

>trans_s_1855 NM_113368|Arabidopsis thaliana peroxisomal membrane 22 kDa family protein
(AT3G24570) mRNA, complete cds

AGGAATTATCATAAAAAATACTCAATGCCGTCAAAGCGGCAGTGAAATTTGGAGTTATGGGTTTCTTC
TCATCTTCATTCCTCTTTTCTCCCCTATTCTTCCCTTCACCCACTTCTTCTTCCCATAAATTTCTTTCTCTGAAT
CCCTTTCACCATGTTTAGGCTCTGGAAATGGTATCAGAACTGTCTCACCTCCATCCAGTCAAGACCCAAGTCA
TCAGTTCGGGCTTTTTATGGGGTACTGGCGACATTGCAGCTCAGTACATTACTCACTCCGCCGCTAAAACCCAT
CTTCCAACCTTCTCAGATGCTGTAGAAGAGTTCAAAATCAACTGGAAACGTGTTGGAATCACAAGCATGTTTG
GATTCGGTTTTGTTGGACCAAGTCGGCCACATGTGGTATGAAGGCTTGGACAGATTTATAAGGCTAAAACCTTCA
GCTACAGCCAAAATCAGCCAAATTTGTTGGGGCAAACTGGCAATGGATGGTCTAATCTTTGGCCCAATCGAT
TTAGTCTTCTTCTCAGTTATATGGGATTTGCCAACGGTAAAGACGTTGCTGAAGTGAAAGAAGACTTGAAGA
GGGACGTCTCCCCGCATTCATCTTGTACAGGTACGGTGTGGCCGATCATTACAGTTGCAAACCTCCGATACGT
GCCAGTGAGGTACCAACTCCTCTATGTTAATATGTTCTGCTTGTGGACAGTGCTTTTTTGTATGGTTTGAGC
AACAAAATGATGCTCCTTGAAGCAATGGTTTACTTCTTTAATCCTTTTAAAGAAAGATAAGAGATTTTGAGA
CCTATCTTCCCAATCTCAGCCTTCTTTTTCCCTTTTTTCGATTCATCACATTGGACTGAGGAATATGCTGATTT
GTTCCCTTAATAATAGACTGTGAAGATATTCTAAGCCACATTTTGTGCATCTCTTTTGTGTGTTTTCATCAATCA
TCA

>trans_s_1856 EF470980|Pistacia vera manganese superoxide dismutase-like protein gene,
complete cds

ATTTTAGTTGGAAATTTTCTTGCGTGTGTGGGAGATTATCCACAATGGCGCTTCGAATTCTAGGCAGGAAAA
ACCTAATTCCTACATTTTCTGGAGGGTTAGGGTCTGGACATCTCCGCGGCCTGCAGACCTTCTCCTTGCCCGAC
CTCGCTTATGACTATGGCGCTCTTGAGCCCGTCATCAATGCGGAAATTATGCAGCTTCATCATCAGAAGCATCA
TCAAGCCTACATCACCAACTACAACAAGGCTCTTGAGCAACTTCACGAGGCCATCAACAAAGGCCACACCTCC
ACCGTAGTCAAATTGCAGAGTGCCATCAAATTCAATGGCGGAGGTACATTAATCATTCGATTTTTTGAATAA
TCTGGCCCCAATTCATGAAGGGGGTGGTGAGCCTCAAAGGGATCTCTAGGATGGGCAATCGACTCCAGTT
CGGTTCTCTTGAAGCCTTGATTCAGAGAGTCAATGCAGAAGGTGCTGCTTACAGGGCTCTGGATGGGTGTG
GCTTGCTCTGGATAAAGAACTAAAGAAGCTATCTGTTGAAACCACGGCCAATCAGGATCCACTTGTGACAAAA
GGATCTTCTTTAGTGCCTCTGCTTGGGATTGATGTTGGGAGCATGCATATTATTTGCAGTACAAAAATGTCAG
ACCAGACTATCTGAAGAACATTTGGAAGGTTATAAATTGGAATATGCTGGTGAGATTTTTGCAAAAGAAGCT
CCCCTGGTTGAGAGTCGTTAAGAGTTCCTTGGGGCTCTTTGTTGAGTCTTCTGTAAACCTTAGTTTGTTCTGGT
GAACGTTGAATAATAAACATCCTTGTACGCATGGATGTTCAAGCCTTGTAATGAGATGAAATGTATATTTGTTT
CAAGTACTCTGTTTGGGAAGATGATGAATGCATGAGGCCACGAGAGTTGCCTTTTTCCAGTTACAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1857 AM284167|Cucumis sativus mRNA for cinnamate-4-hydroxylase (c4H gene)

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTAGACAAAGGAATAAAATTTAAAGCATTTATGAAAAGTTTGACATGTATC
ATCAAGGATTCTACCCACCTCCACATAACATGATCAATTTCAAATCTTTTTCCCAAATTGTATACATTAAG
ATCAACAACTCATCTTCATTCATTGCTCGCTCATCACTCCAAAGAATCCCATTTGCAATACAAATTTCTTA
GAACACTCTTGGCTTAGCAACAATGGTGGAAATGTTTCAAATGTAGGCTAAATTGCCACCTTCTCTGAGGTA

TCCAACCTAGACTGTCCAGGAGGAGGAAGCAGCTCAAAGTTTTGAACCAAACGCCCAATCGTAATACCAAGAA
TTGGCAAAGCCAAGATGATTCTGGGCAGCTCCTTCTCCCAACGCCAAAAGGCAAGTATCTAAAATCATTTC
TTGGCTTCAACCTTTGATTCTCTTCCAAGAACCTCTCGGGCCGGAACCTTCCGGGTCTTCCAGTTGGCTGG
GTTGTTGGCTAGCCACCAGGCATTACTAGGATCTTGCTCTCGGCTGGAATATCATAGCCCCCGAGCTTGGCA
TCGTGGAGGTTTCATGTGAGGCACGAGTAATGGGATGGCCATACGAAGGCGGAGAGTCTCCTTGATCACGGCT
TGGAGGTATGGGAGCTTGTGTGTGTCTGGCTCGGTGATTGGAACACCGGGTCCGAGTACGGTGTGAGTTCA
TTTCTTAGCTTTCTTTGGATTCTGGGTGGTTCATTAGCTCTGCGATTCCCCATTCAATTGACCATAATGTTGTT
CAATTGCTGCCACATTGATATTCTCAACAATGTAAAGCACATTATCTTCGTTGATTCTCCCTTCTGTTGCGCAT
CCAATATATGATCAATCGCACATTTCAATCCCTCGCCTGTCTGTGCTCTTCGTGTTTGCAAGTTTCTTCTCTCTC
GA

>trans_s_1858 AL161512|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 24

GGAAAATTCATGGTCTGATAAAAGCTCTAGTAACCTTTGGTGTCGTTTCGTTGGAATCAGAGAGGAAACCACAT
TTAAGTTCACTTGAAAATAGAAGCTTCAATTACTCTCCGCTTCTCCACATTCTATTGAATCGCACAAGGATTTG
CAGAAAGGGATTGCCCTCTAAAGAAAAGGTAGCGTGTGTTACTGCATATGGCTATAACTCCCTTTCTTTAGA
CGTTCCTTCTGAAGCTTCAACTTTGAAGCATTTGCTAAATTATTGGCTACTCTTCTTCATCAAAGGAAGTGCG
TTCTGTTTTTCCCTCAAAATGAATTCTTCCAGGTCCACCAAGCACATTGAGAAACCGATCAAGTCTACATGGAA
TGCGAATTCCATCTCATCCAGCATGCTGTTTCGAGAGTGGACATTCACAAATAATGAAAACCAATTATGAGAGT
AACCTTCCAAGTTCTGCTTCGAGTTATCTCTATGCCACCGAGTCTCTGATGCTGGAAAGAATGATTCCACCATT
GAAGGATGGGACCTCGTAGAGCATCCAACCTTTCTCCTCCACCTTCCCAAGCCGAAGACATCGAGCATTGGA
CTCGAGCAATGTTTCATTGATGCCACCAAACGGTACATGAAAGATAGCGCGAGAAAGTGAAGTAGTCGGAAC
GCCCCAATGCGAAATTATGGAGACTTCAAAAGGTGTATATCTCTGGACATATTTAGGTTTAGGATAACTTTTATT
ATTCCATCATATCTGGATTTATTTAGAATTAGGATAACTTGTAGCTATTCCATCGTCTTACCCAATATTATTCTG
AATTATTATTTTCCCCCTTTTTTTTAAATGGGTGCACATAGAGAAGTTGGTTCATGGGGGGTTTTTCAAATGTAT
ATAGAAATTGGCCTTTAAAATTAGTTAATTCCCTTTGGTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_1859 BT030083|Arabidopsis thaliana At1g15760 gene, complete cds

GGGATCAGTGTGAGACTTAGAAACAAATTCTGTAAACCAATTCAAAGAGAAAGAAATGAGAGAAGATCAAAT
CAAATCAGAGATGGATTGGTTCTCATGGCTTTCAAAAACATCTCTCCATCCATCTTTAGTCTACGAATACGGCC
TTGCCCTAGCCAACAACGAGCTCGAATACGAAGACATTCTCTATTTCAACCATGAATTTCTCAAAGCATCGGA
ATCTCCATAGCCAACACCGTCTAGAGATTCTTAAGCTTGTCGTAAGGAAAACGCTCTCCACCCTCGTCCAAT
CACTCGTATTCTCCTCGCTCTCAAGAAAACCAAACGCCGGTTCGCAAATCTCATACGAAACTTCACTCATCACG
ATGATCAATTAGAAGAATCCAAAGCCCTAGTTCTTGTTCTAAATCAAGTTACGCCGCTAAGATTCTGAAGAG
GAACAAGACATTAGCGTGGGGAAAACGCAGGGGAGGTTTCTTCTTACCAATGGAAGTCCGGATCATGATGT
AAAGATTGGGCGGCGGATTCAACACTTTTCCGGTCCGATCTTGACGATGTACGGTCGTGCGGCGGCGGCGGA
GGAGGAGAAGAAGAAGGAGGGCGTTGAGGAAATCAGGTGGGATGCAATGTTTCAGAATTTGAAACCTACTT
GAAAATAAAATTCATGGAATTTTCAACAAAATTGTTGTTTTTGTTTAATTTGTTAACAACCTAGGGTTAATTTG
AATGGTGAGAGATAGGTTTTTTGTGTTCTCCACCATTAGATTGGATTTCATTTTTTGTGTTTTTGGGAAG
TGGTGGGTCTTAGGAGAAGACAAGCTTTAGGAAGAAGGGTTTGATTAGAATGATGATGATCATTGTGTTCTT
TTTTACTTTCCTGAAGATGAATATTTAATTGATGTCTGCCTTTTATTAGGTAAGACTTAAAGAGAGATATAATTG
ATTTTGGTGTTTT

>trans_s_1860 AY488758|Pisum sativum short-chain dehydrogenase Tic32 mRNA, complete cds;
nuclear gene for chloroplast product

TTACAATAGAACGTGAATTTGGACACGAGTGTTCATGCGCGGAAAGAGGTGGCAGAATGCATGGTTCTTATTA
ACGCAGTGATTTGCCCCGGCGGTGGTTGGTTATTAGAAGCATAAAGTTTCAGGCGAATTTGCAGATTTGGATAA
ATCCCGATTGGGTTTTAGATTTTCATCTCTCTTTAATCGAGGCAATGTGGTTATTGAGAAGAAAAGGGCCATCT
GGATTTTCGTCTTCTTCCACTGCCGAGGAAGTACTGATGGAATCGATGGCACTGGTCTTACCGCCATTGCTAC
AGGAGCATCAAGCGGTATTGGCTCTGAACTGCGCGTGTCTCGCATTACGTGGAGTCCATGTCATTATGGGC
GTTAGGAATTTAGAACTGGTACAAATGCCAGAGAAACCATCGTGAAGGAGAATCCCTCTGCGAAAATTGAT
GCCATGGAGTTGGATCTTAGCTCCATGGCGTCTGTAAGAAAATTTGCCTCAGATTACAGTCGTCTGGGTTTTCC
ACTTAACATCCTCGTTAACAATGCAGGAATAATGGCAACCCCTTTTGGACTTTCAAAGATAATATAGAGCTGC
AATTTGCGACAAACCACGTAGGCCATTTCTTTTGACAAATCTACTTTTGAAAATATGAAGAAAAGTCCGCT
GAAAGTAAGAAAGAAGGAAGAATTGTAAATGTCTCCTCCGAAGCTCATCGTTACACATATCCTGAAGGCATCC
GATTCGATGGAATTAATGATGAATCAAGGTATAACAAAATGCAGGCTTATGGCCAGTCAAAGTTATCTAATAT
TCTGCATGCCAATGAACTTACCAGACGTTTCAAGGAAGAAGGATTAACTTAACCGCAAACCTCACTCCACCCG
GGGATAATCACCACAAATCTTTCCGCCACTTTCATTATGGCAATGGTATAGTAAACACCGTTGGCAAAATCAT
GTTTAAAGTGTTTC

>trans_s_1861 AY056426|Arabidopsis thaliana At1g05520/T25N20_16 mRNA, complete cds

TGCTGCTGTGATGATTCAGCCATCACTAATATCGTACTCATTCAATTCCTCCCTGCACCGGCATTGTTAGATGT
TGTTTCCATTGCAGCTGATCGCATTCTCCTTCTAGATTCTTATTTAGTGTTGTCATATTTTCATGGAATGACAATA
GCACAGTGGCGAAATATGGGATACCAAAATCAACCAGAACACCAAGCATTGACAGTTATTGAGTGCTCCTC
ATGATGATGCCCAAATTATTATTCATGAGCGTTTTCCAGTTCCCTCGTTTGGTTGTCTGCGATCAGCATGGTTCCC
AGGCTAGATTCTTATTGGCAAAGTTGAATCCATCAGCAACATACAACAATGCTCAAGAAATAGCAGCCGGGTC
AGATATCATATTTACAGACGACGTTAGCCTTCAAGTATTCTTTGAGCATCTTCAGAGGTTGGCTGTGCAATCTT
GAGAATAGATGTCTATCTTGAGGCTTATAGGGAAAATCTGATCGTTCTTGCTGTGGGAAAATTCCTGAAGGT
TATGTATATCTGGTCTGGTGCCTTACTGACTTCTTTTCTGGTCTTTCCATCATTTTCCAAGTTGAGAAGCCAATA
TTTCCACATTCTCTCATTTGAAGAATATATTGAGAACACTGGTGAAAAAAATTCCTTTGTTTTGGGGGGGGAC
ATTCTGGGTGCACATCGCTGCTTAATAAAAAGTCACAAAGGACGTTTGAGCCTCAAGTTAGTTAATATGATTG
ATGAGGGAAGAGGCAAAAAGGAGGGGAGGTTTATTGGGAATGTAATTTAGAGGAATCCTTCAACAGCTTAG
ACATTTGTGAAAGTCAATTCTGTTAGGAGTTTGGTCTTCAATTTGTTGTTTGTATTGAGGTTATTAGACCAC
AAGTATTTTTGATGATTCTCAAGTAAATTATAAGGAAGGGAGCTTAGTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_1862 NM_102467|Arabidopsis thaliana ATHB54 (ARABIDOPSIS THALIANA HOMEBOX
PROTEIN 54); nucleic acid binding / transcription factor (ATHB54) mRNA, complete cds

ATTTTCAAATTAATAAAGTGTCAAAGTTTCCTTTTTCTTTTGTCTTCTTGATGTTGTGAAAATTTCTATACATTAT
CTTTTATAGCGCCACCCATTCTCAGCCGCCGCTCAACCGACGAGCCATGGGTCGGAAGAGAGATAAACCTACC
CTTCCTCCACCTTCTACCTCTGCCGCTAAGAGGCGACGCCCTCCGCCGTCTACGGTGGACGATGATTTGGAA
AAGCCCGTGTCTAAACCTGCGCCACCGCTTGCCCTAGTCGTCGTTGACCTTCCTTACAATGTTCCGGTCTTGA
CTTGAAGTCCCGGTTTGAGATCTACGGATCCATTTCCCGCATCCGAATCGACCGTGATTGTGTTGGCTACATCA
CTTATCGCACTAAAGACTCCGCCGATGCTGCCATGACCGCTGCCCTTGATCCCTCCTTCGCCTTCACTATTGATT
CCAAAAAGGTTTCAGGTACTATGGGCGAATGATCCTCAAGTCCAATGGCGACAAGGGATTAACGTTGGTGTTA
ACAAGAATAAGGAATTATCTTCAAAGCTCTTGCGGGCAGAGGTGCCACTAAGCAGACATGGAAGAAGCAATA
AGCTTGCTTCAACCATTGTCAACCCAGAGAAGCAACAGCTCTTCAAGGTCAGATGTGCCTTTCAGGGGCAG
AGAAGTTGTTGCTTATGATGATATTCTTAAGTTCACAGATTGCGTCATTTGTTTTCTCTTTTCATTTAGTGTG
GTGGTATAGTGTAGTATAGATCGAGTTCTTAAGTGTACAATTAATTTATGTCAGTTGTCTCATATTCCTCATTA

ATTCTTCTTGATTCAAACCTCCTTATGATCCTAAATCCAAGTTTGTATTAATCTGAAACTCAAGCTTTTCATCAAG
GCTTAGTTGCTTACTTAATTACTATGTTCTTTTAGTCTTGCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_1863 NM_118885|Arabidopsis thaliana PPI1 (PROTON PUMP INTERACTOR 1); protein
binding (PPI1) mRNA, complete cds

CAAATTTGGTTCTCATGAAGATGAGCCTGTAAAGAACAGGTAGATGGTTCTTCAACAATAATGTCCAAAA
GATGCTGCTGATGAATGGCCTGCACCTAAGCAAATCCATACCTTCTACTTCGTGAGGCATCGCGCGTACGATG
ATCCGAATGTCAAGGCAAAATTGATTTGGCTGACAAAGAGATACAGAAGAGGAGTCAAGCTCGGTTTCAA
TCACTGAAGCACTGAAGGGAAAGAGGGGGGAACGAGCAGAGTTGATTACTCAGATGAAAGCTCTGAGAGAT
GACAACAGGCAATTTAAATCAATTGTTGACGAGAAAATTAAGGAGATCGAACCTCTTAATCAAGCTCTTGGCA
AGTCCGAAATGCAAACAATGCTGGTCGCAATGGTGGTTTATGTTTCATCTGAGGAAGAACTTAATGCTGTTAT
TCAGAGCCTGCAATACCATATACAACATGAAAGCATTCCGCTTTCTGAGGAAAAGCAAATTTTAAGAGAAATT
AAACAGCTTGAAGGGACGAGGGAGAAAGTTATTGCTAATGCTGCTATGAGAGCAAAGCTTCAGGATTCGATG
GTACAGAAAGAAGCCCTCCAAGATCAAGTCAAGATCATAGGTGGTGATTTGGATGGAGTGAGGAAGGAACA
ACAAGCCGTTAGAGCCAAGATAAAGCAAATCGATGATGCCTTGAAGGCAATAGACAATGAAATTAACCTTT
GCAGGATGAGCTAACTTCTGTTACAGAGAAGAGAGGCAGAGCTCACGAAAGCATTAGCAACTTAGGAAGAA
CCGTGATGAGGGGAATGCCCACTTTTATCAGACCCCATCGCTCTTAAACAAAGCCAGAGATCTTGCTGCACAG
AAGGACGTCAAGGCCCTTGAGGAGCTTGCTTTAATGAGGTTGAGAAGTTTATGTCTCTCTGGAATGGTGATA
AGGCTTTCAGGGATGATTATGAAAAA

>trans_s_1864 NM_001074440|Oryza sativa Japonica Group Os11g0484000 (Os11g0484000)
mRNA, complete cds

AGTCAAAGAAGTTGCAGTAGGTGGTTGCAATGGTGAAGCATCTTTGAAGCGTTGCATTGTTCTTGACATAGAA
GGAATACTACTCCGATATCATTTGTGACCGATGTTCTTTTCCATATGCTCGTGACAATGTCCACAAACATTTG
TCTTAACATTTGATACTGCTGAGACTAAAGAAGATATTAAGTTGTTGATATCCCAGGTGCAAGATGATCTGG
AAAAAGGCGTTGCTGGTGTGCTTATCCTCTTGATGATTCTGCGAAAGAGGAAGTTATTGCAGCTATAGT
TGCGAACGTAGAAGCCATGATAAAAGCTGACAGGAAGATTCTGCTCTAAACAGTTGCAAGGTCATATATG
GCTAACTGGATTTGAGAACAAATGAATTGAAAGGTGAAGTTTTTGAGGATGTACCGAGAGCTCTGGAAAGATG
GCACGCCCTGGGCACAAAGGTATATTTACTCGAGCGGTAGTAGGTTGGCACAGAGGCTTCTATTTGGAAC
ACAAAATATGGGGATCTGAGAAAATATTTGTCAGGATATTTTGATACCGCCGTGGGGAACAAAAGAGAAACG
CGCAGTTATGTTGAGATCAGAGAGTCTGTTGGAGTCGATAAGCCGTCGGAATTTTGTGTTGCTACTGATGTTT
CCAGGAAGCCGTAGCTGCAAAAGCAGCAGGATTGGATGTGAATATATCCATTCGACCTGGAAACGCTCCTCTT
CCAGACAATCATGGGTTCAAACAATTCAATCATTCTCAGAAATTTGAAGAGCTGGTATGTGAGTCTCTTTTTT
CATAGTGGAATGGAATGTACAATAAAGCTTGAGAAGAGAGACTATTTTTCTCAAATAAATAACTTCAACATCTT
TGAGTTTATATGCAAGTTCCTATTGTCTGCATCAATAAATAATCATCAATAGTCCTCTTTACAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1865 X68215|P.sativum mRNA for pIAA4/5.1

CATGCTGTTATTTACCCCCATCGAATAAAAGTATACTGCGGTTCAAGGAGATGTTGAGTTATTCCTTGTGTAC
CCTAAATGGTAACCAAAGAGCTGAATGGGCGAAGTGCACAGCAGTCAGATGGCGACTTGGGGTTTCTATTT
CAACAGAAGTCACAATAATGTGCCTGTACAGTGAAACAAACACTCGAAATTGGTTGATATCACATTGCCAAA
TCGTTGAACAATATTTTCATGCAATGGTGGTCTCTTTAGTTGCAACTTGACCACATATCAAACATGTTACTCACA
AGTTCTACCATGCTCACAAAAGTAGACGATATACGCCTGTTGAGCAAGACCAGCTTCCAATTTGACTCTTTGT

ATGCTCATTTGGAGATTTCTTGCTACTTCATTTGCTTCAGTAACCTTAGCACTATTCTTTTCTGGTATCGCGCAA
ACCTTCTCGGAGTTGTCTCAGAGAAAGAATTGGTTTGAAATGAAACATATGGCTTTCGGGTTGTGATTTCTACA
TGGATTTATTGTTTGCTTCAGTGGTCTAGAAGAGGCTAATATTATCGGTGCAGTTCTCTTGTTTCACTTTTGAT
TCCTTCACAAAGCCTCGAAGGAGGCTAGAGTGCACCGTTGTAGGAAAAGAATGATCATCATTGCTCTGTATCT
CTTTAGCCATGTATTAGCATTATGAGAATTATGTTTTTCTTTTCTATCGTTGGCAAAAAGAGGCCACATGGCA
TAGATATCTTTCTTTTGTCCACATGATGATCACTATTCTTTTCCCGTTGGGTATGTGTGAAGTGATTTTAAGA
GGTCGGCTTAAGGATGTTTCGAACTAAATACTAATATAGTCTCCGATAAATGTCTAGATGGATATCTGTTTGG
AAATCATGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_1866 AC069326|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T24G5 From
Chromosome V, complete sequence

TTCGAAAATTCTATATATCCTGAAAGAGAGAGAGAGAAGTAAAGGAAAAAAAAAGAGTAATTCTCTCTTTGTTT
CTTTTCTAACAGACACCCACCTAGCAAGTTAACTCTCTTCTGCTGTTCTGAGTTTAGACAAACATGGAAGTT
GCTTTAGAACTTGAAGATGATTTGTTCTTTGCTGATTTGAGCAGACAGCTTCTCTTCTCATGGATGATAAT
GAAGACCTCTCCCTCGTCCACATGTTTCTCTCAGGCTCTGTCTCATGGAGTGCCTACCCGACACGGCCACT
GGCTACACATGAACATGCCGCCGCCGCTGTTGCCGCTGCCTACAACGGTGTAAAGCAAGGGCACCAGGTGTGTT
CATCCCTAGGTCCCTGCAGCCTGCAAGAAAACAGAGGCGTGGAAGACACAATAACATAAAGCCAAACCGACA
GTTTCATATCAGTATTGATGTGAACCTACAAGTATCTCCAACAACCATTTGATGCGTCCTAAAAAGGGATAAG
GATTCGAAGAATTTACGGAAAAGGGTTATCAGAATTCTGATAATAAAAAATAAAAAATAATTCTTTCACCAAGT
ATTAAGTTAATGGTGATAGCTGTACATGGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAA
GCTATAGTATTAGGGTGTGTGAATTACTGGGTTGTTAATTGGTTTATGTGGTTCATTGGAAGGTTAATTAACCT
AAGGTTTGTGAACCTCCTCTCCCCCTTTGTGAAAAATTAATGGTTGTTTCTTCTAATAATATCATAATTTCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAATTTTTTTGTGGGTTGTGAGATGTAACCTTAGACAAAAGAGC
AGTCTTGTGAACATGCTCTGTTTTGTTTGTGAGATCTGAATCCAACAAGAATCATCAGACTCTGCAAAAGGC
TGAAGATGAGTT

>trans_s_1867 XM_002871979|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata exostosin family protein, mRNA

AGAATCTTTGGCTAACTCCAAATCCAACATACACCATTTTCTCTTTCTTCCCCTCTAAGCATCACCCACCAAATAA
GCAAAATCCATACTTTCTATCTTATGTGCTTATCCACCCAAAAAATGAGTATCATATAACATGATTGTTCTTCT
AAGATGGTGGAGATTTCAAGAACCTCCAAGAAAAAAGGTTCTTGAATTTCAATATCATCAATCATAGAAAAA
ATACACTAATTTGCTTCAAATCTTCAAATACCTTCTTCTTCTACTTGTTTTCTTCTATGTCTTCGTTCTTTTC
TCCTAACCCATAATAATAACCCAAATCCAATCTAATTCATCATCTCTCCAATTCCAAACCTTTCTTCAAAGC
TCTTGTTGAATCCACTTTTGATTTTCATGACAATACCAACGACTTGAAAATTTTCGTCTACGATTTGCCGCCGA
ATTCAACGCCAATTGGCTTTCTGACGCTCGGTGCGGTGGTCATTTGTTTGCTTCTGAGGTGGCCATTCATAGGG
CTCTTTTGACGAGCCATGTAAGGACTTTGGACCTTCTGAAGCTGATTTCTTCTTTGTTTCTGTTTATGTTTCTG
TAATTTTAGCTCCTTTAATGGCTTTCCGGCTATTGCCATGCTCCTTCTTTTGGCCTCTGCTGTGACGTCATC
TCCGGCCAATTCCCGTTTTGGAACCGTAGCCGTGGCTTAGACCACGTCTTCGTTGCTTCTCATGACTATGGCGC
TTGTTTCCATTCTTGGAAGATATGGCAATAGCAAACGGAATACCGGAATTCTTGAAGAACTCAATCATTTTAC
AGACTTTTGGAGTCAAATCTAAGCACCCATGTCAAGATGTTGAGAATATTTAATACCACCTTATATTTGACG
GAATCCATGGAATCCGCCGTCGTTGAAGGCCGCCGGAGAGATATATTCGCGTTTTTTCGGGGAAA

>trans_s_1868 AF516356|Hevea brasiliensis eukaryotic translation initiation factor 5A isoform VII
(eIF-5A) mRNA, complete cds

TTCTTCGTTTTTCTCGTATATATAAATTCGCTTCTTTTCTCCAACCCGCTCCGTCGCACGTCTTACTTTTACGAAT
CACCTCTCTTTGAACTTTTTTCCCAACAGAGCCATGTCGGACGAGGAGCACCCTTCGAGTCCAAGGCCGAC
GCCGGAGCTTCCAAGACTTATCCCCAGCAGGCTGGAACCATCCGCAAAAATGGATACATTGTCATCAAGGGCA
GACCTTGCAAGGTTGTTGAGGTTTCAACCTCAAAGACTGGAAAAGCACGGACATGCTAAATGTCACTTTGTTGG
CATTGACATTTTCACTGCTAAAAAGCTTGAAGATATCGTCCCCTCTTCACACAATTGTGATGTTCCACATGTCAG
TCGTA CTGACTACCAGCTCATTGATATCTCCGAGGATGGATTTATTAGCCTGCTGACAGACAGTGGTAGCACC
AAGGATGACCTTAGGCTTCCAACCGATGATAATCTGCTGTCCCAGATCAAGGATGGATTTGCCGAGGGGAAG
GATCTGATTGTGACTGTCATGTCTTCAATGGGAGAGGAGCAAATCTGCGCTCTCAAGGACATAGGCCCAAAAT
AGTTTCCTTGGATCAATAAAAAACACAGTTTGCAGCAAAGACCTTAGAACGAACAATATCCAATCATAGTCTAT
ATAGTCGTTTGAGAAGCGTGGTTCGTTGATGATGAAGATTAGTGGTTTCTTTTACTCTCTTGATCAGACTCTAC
AATTAATATTTATTTTCTACTGCTATTGGTGTGGATTGAAGATTGGTTTTTCTTGGCTAGTGTCTCTCTTCA
GTCATCAAATCATGTAACTTTTCTAAGATAAGCTGCTTATGGTTGTTTAAAGAGTTGGTAGGAAAGAATCGTG
GTTTCTGAGGAAGTATAATATTTTATTTACCAGTATGGGAGTCTTTTTTGA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_1869 AJ309072|Sesbania rostrata mRNA for calcium binding protein

ATTACAAAAATCAAAAAGTTTACCCCTTCGTTTTCTCTCCATCGATTCTCTCTAATTCTGACCTCCAAAAATGGC
CACTGACCCTAACCAGATTCCCACCTCACAATCCGACGCCGACCAAATCGCCAAGCAGAAGCCATCCGTTTTAC
TCGAGGACGACGACGAACTCCGCAAGGTTTTCGAACGCTTCGATGCGAATGGCGACGGTAAGATCTCTATCA
CCGAGCTCGATGCCGTCCTCACTTCCTTAACGTTAAAAATCCGCCATCCCCTTAGAAGAGCTTCGATCTGTCATG
GACGATCTCGACTCTGATAAGGACGGTTATATCAACATCGAAGAATTCGCCGCTTCTGTAAGAAACCGATGG
CCTCCGACGAGGCTGGAGCAGCGGAGCTTCGTGACGCCTTCGACCTCTACGATCAGGACCGTAACGGCCTTAT
TTCTCAGTCTGAGCTCCATCTTGTTCTTAATCGCCTCGGAATCAGTTGTTCTAAGGAAGACTGTCAAAAAATGA
TCAACTCCGTCGATTTCGGATGGAGACGGAAATGTGAATTCGAAGAGTTTAGGAAGATGATGACAGATAATT
CCAAATCGAAGGCGGCTAAACAGAACGGAAGTCTGCGGCGGCACCCTAGCCCTAGCTCTAGGTTTTGGTAA
GTTGTTTAGTAATTAGCCGCGTGAGAGAGGTAACGAAGTCGATTTCTCTATCCTTCGTTCTTTTTTTTTCTTTA
ATTTCTCTATGTTCTATCCCTTAATCTGAATCCAATCCAATATTCTGTTTTCTATTTTGCCGAAATGTAACAA
AAAATTCGGATCTGCTTCTGTTAATCATCCGCCATTAATGCTGATCTTTAATTTCCACTCTTCTTCATTTGTTTT
CCGATTGAAGATAGAAAAGAACTTTCCCGGAAAATCGATTGATCTTGCCGGA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_1870 NM_202618|Arabidopsis thaliana NADK1 (NAD KINASE 1); NAD+ kinase/ NADH
kinase/ calmodulin binding (NADK1) mRNA, complete cds

ATTTACACCAATATGCCACATTCCTTGCTTTTCGACCCTTGATATTTCTGAGTATGTAACGATACGTATACA
AGTACCATTCAATAGCAGGGGGCACGCATGGGCGTCCTTCGACGGTAAAGACAGGAAGCAATTGGCTGCAG
GGGATGCACTTGTATGCAGCATGGCACCTTGGCCAGTGCCTACAGCATGCCAGGTAGACTCAACAAATGACTT
CTTGCGCAGCATTACGATGGCCTTCACTGGAATCTAAGAAAGACACAATCTTTCGATGGACCTCGAGATGCA
TGACCAAATCATAGAAGCCTCTTTATATTACAACCTGTTGACAGGAAGCAGTTGATTCTCATTGGTATTTATATT
TTTCAACATATATCTTAGTAGTTCTGCCTCAGAAATGAATAGATGTAGTAGGAGGAAAAATGAGAAAGAAAAAT
CACTGAATAACAGTAGTTTTCTTTTATTATTTATGGTTTAAAGCTGAAGGCTCAAGAAAATGATTGGAGCCCATA
TTTTAATAAGTTGTATGGTAGAATGAGTGCTGACAAATTTTTGAATAGTAAGCAATAGATGAATGTAATATTTT
TATTTTCTTTCTCAGTTCTTAGTATGTATGGTAACTGTAATGTCTAAAAAGGCCTTGCTAGATGAATCAAAGTG
TTTACATGTAACAGTGTTGTCATAAGCCATAATTTCTCTCAAAGAAGTTTCGGTTTCATCCTCAAGGATGTAACC
AATGTTGTAGCTAATGAAGTAGTTTCTCTCTTCCCTCAGCTGTGATTCTCTCATTTTCTCACTCTCTTACACAT

CTCTTGCACACACTCTGATCAACTAGCTTGGACAAAAAAATTCGTACTACCCCATCTATAGTCATGTCAATAA
CGTTTCCTGTTATTTATATCTAAATCTTATCATGTCAAGTGATATTTATATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_1871 EU591534|Ricinus communis 1-acyl-sn-glycerol-3-phosphate acyltransferase
(LPAAT4) mRNA, complete cds

ATTCCTGTTCCATTACATTAGATAAGAACACACCCAGTTTCAATTTTTTTCAAGAATTTAAGAGAAGACCCAA
ACAATCTTTTCTTCCATCCCTCTCTTTTTCTTCGGTTTCTGAGCCCCATCTGTAGGAGAGGAATTCTTTGAATCGG
TTCTTGGAAGAATGGATGTTTCTACGCCTCTGCAATCTGATAATACACAAAACATAAATCTCTTAGTCCTAGT
AGGCTAATGAGAGGGGTGATTTGTTTAGCGGTGTTTCTATCAACTGCTTTCATGTTCTTGGTGATTTTTGCGCC
TGTAGTTACTCTCTCTTTGCGCCTTTTTAGCTTGCATTACAGTAGGAAGGCAACTTCCATTGTATTTGGTTGCTG
GCTGGCCCTGTGGCCCTTTCTCTTTGAAGTGATAAATGGGACTAAAGTTGTCTTCTATGGGGATGATATACCA
GCAAATGAACGTGTTTTACTAATTGCCAACACAGAACTGAAGTTGATTGGATGTATTTGTGGGACCTTGCAAT
GCGAAAAGGGTCCTTAGGCTGCATCAAGTACATCCTTAAAGCAGCTTAATGAAGCTGCCTCTTTTTGGTTGG
GGATTCCACATTTTGGAGTTCATTCTGTTGAAAGGAAATGGGAAATCGATGAACCGGTTATGTGCCAAAGAC
TTTCTACGTTTAAAAATCCTCGAGATCCCTGTGGCTTGCTGTTTTCTGAGGGAACCGACTTACGGAGGCA
AAATGCAAGAAGAGTCAAGCATATGCTGCTGAAGATGGACTTCCGGTGCTGAAACACGTTTTACTTCTAAAA
CAAGAGGTTTTTGTGCTTGCTTACAGACCCTACGAGGTTGCTTGATGCTGTGTATGATCTGACTATTGCCTAC
AAGGATCGATGCCCTACCTTTCTGGATAATGTCTTCGGCCTCGGTCCTTCTGAAAGTCACATTCATATTCAAAG
GAT

>trans_s_1872 AY325818|Lycopersicon esculentum protein phosphatase 2A catalytic subunit
(PP2Ac2) mRNA, complete cds

AACAGATGATCCCAGCTTCCCCACTTCAATCCATCTCCATCTGCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCCTCGA
TTCTCCTGACCTCAATCAAATTCATTCTTTTTCATGTTTTTCTAGTAATCCGATTCTCATAACCACGGGTTCTCTC
TCTCTCCCCCTTCTCTCCTGCTGCGTGAGAGATCCTTTCCTTCTCGATCCCCACTCCCTTCTCAATCTTCGATCT
CTAATTACGGATCTCAACTCTTCTTTTTACACCATGCCCTCTCACGCGGATCTGGACCGTCAGATCGAGCATCT
GATGGAGTGTAAGCCTCTTCCGAGGCCGAGGTTAAGACGCTTTGTGATCAGGCTAGGACCATTTTGGTTGAG
GAATGGAACGTTACGCCGTCAAGTGCCCGTCACCGTTTGTGGGGATATTCACGGCCAGTTTTATGATCTCG
TTGAATTTTTTCGGATAGGAGGGAATGCTCCCGATACTAATTATCTTTCATGGGTGATTATGTTGACCGTGGA
TACTATTCTGTGGAGACTGTTACACTTCTAGTGGCTCTAAAAGTTCGTTATAGAGATAGAATTACAATCTTGAG
GGGAAATCATGAGAGCAGGCAGATAACTCAAGTTTATGGATTTTATGACGAGTGTTGAGAAAATATGGAAA
TGCAATGTCTGGAAGCACTTACCGACCTCTTGATTATTTACCTCTTACAGCTCTAATTGAGAGCCAGGTTTT
TTGTTTGCATGGAGGACTTTCACCATCTTTGGATACCTTGGATAACATCAGAGCTTTGGACCGAATTCAAGAGG
TTCCACATGAGGGACCGATGTGTGATCTTATGGTCTGACCCTGATGACCGCTGTGGTTGGGGAATATCTCC
GCGTGGTGCTGGATATACTTTTGGGCAGGATATTGCCACTCAATTTAACCACACGAATGGGCTAACGCTGA

>trans_s_1873 X51608|Triticum aestivum RNA for phosphoribulokinase

AAGTTAAAGCAATTAAGTGGTGTCTCTGTTGATAAGCCTATTTACAATCATGTCACTGGTCTTCTTGACCCC
CCTGAGCTCATTAAACCCCTAAAATCCTTGTCATTGAAGGTTTACACCCCATGTATGATTCAAGAGTAAGAGA
TCTGTTGGACTTCAGTATCTACTTGGACATCAGCAATGAAGTTAAATTTGCATGGAAAATTCAGAGGGACATG
GCCGAGAGAGGACACAGTCTTGAAGCATCAAAGCGAGTATTGAAGCTCGAAAACCCGACTTTGATGCCTAT
ATCGACCCACAGAAGCAATACGCAGATGCAGTGATTGAAGTGTGCAACAAAACCTGATTCCAGATGATAATG
AAGGAAAAGTTTTGAGAGTTAGGCTGATAATGAAGGAAGGGGTTGAGTTTTTTAACCCAGTTTATTTGTTGA

TCAAGGCTCTACAATTTTCATGGATACCATGTGGAAGAAAGCTCACTTGCTCTTACCCTGGCATCAAATTTCTCT
ATGGCCCTGAAACTTACTATGGCCACGAGGTATCGGTGCTTGAAATGGACGGGCAATTTGACAGACTGGACG
AGCTGATCTATGTGGAAGCCATCTAAGCAACCTGTGACAAAATTTCTATGGTGAAGTGACTCAACAAATGTT
GAAGCATTCGGAAGCAACAATGGCACAGGCTTCTTCCAAACCATAGTCGGATTGAAGATCAGA
GATCTGTATGAGCAGATTACAGCTAGTAGGGTCAAGGCGCCGGTTGAGGCTGCAAAGGCCTGAACTTAGTG
CTCCAACGAGAGGATTTTCTCAATCGTCCGTGGCCGATTTTCATCTGGATTTGGCTTTCAATTTAAGCTTTGTGT
TATTAGGCTGCTTTACAATGAATTTGTTGTTATGAATGAATTTACTGATCGGTGGAGATTTGTGATGTAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1874 AL161513|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 25

ATGGTTTGACCGATTATTTACTTCCTGGCGTCGAGGAAAGTGGTTCCGAAATCAAATTTCTAATGGCTTGGC
GCCTTCTGGTCACCAACCTCAAATCCACTCAAACACAAACCCTAACCTAACAAACCTCCTTCGCCATTCTTCTC
CATTCTCCACCTCCTTCCTCGTCACCAAACTGCCAAGAAATTAGGAAGAAACGCAAGAAGCACGAAAGCCC
TAGAACCAAGCTCGTTCAATCCGAACCCGATCGCATTCTCACTTCGAGCGCATCCTCAAACCGATTCTTCTT
CAGATTCCTTTTTAAGTCCAAGGATTTCTTTCCAAGCAGCCGAGCACGTTCTTCGTCTCGATGATGCCGGCA
AGCTTTATCGCGAACTTGGCTTTCCAAGAGGTGCGAAAGTCGCTCGATCTATTGAACGCCATCCGCTTCTTTTC
GAACCTATCGTCACTCCGATGGGAAAATGTGGTTTGGATTACGGAGTTCATGGAGGAGTTAATCGAGGAA
GAGAGGGAGATTATGGACTCGATGGAGATGGATAGGGTTAGAACTGTCAGGAAGTTGCTGATGATGTCGGC
GAATAAACGAATTCATTGACGAAAATCTATCGTTGCAGGTCGGTGTTTGAATTCCAGAGGATTTAGGGAT
CGAGTGAGCAAGTATCCGGATTACTTCCGACTTGTGGTTGAAGATGATGGGAAGAGGGTGTGGAATTGGTG
AATTGGGAGCCTTCTTTGGCTGTAGTCAGCTCGAGAGAGAGTTTGTGGTGAACGAGGATAAGGTGAAAAGG
ATGTTTCATGTTTCTGTGAAACATGGCAGGGATTTGGATCTGGATTTGGATGATACGAAGAAGCTGAATTTGT
TGAATACACTCCCATTTGGTTTCGCCATATTCAGACGGATCGAAGCTGGAGCTTTGGACATTGGAAGCAGAGAA
GTACAGACTTGGTTG

>trans_s_1875 D11470|Nicotiana sylvestris tufB gene for chloroplast elongation factor TuB,
complete cds

ATTGTGGCTATGGCAGAATTGGATAGAACTCCCATTTGAGGCTCTCTTTCTCTTACCATTCTACAAGATAACA
CTACTCTTCTTCACTCTCCAAAACCCCATCTTCTTCTTCTTCTTAGGTTCCCTCTCTCCCTTCTCCAATGGCGGC
CATTTCTTAGCTTCCGTTTCCACTTCTTCCAAGCTTGTTTTCCCTCACCTTCTTCTCTCTTCTCCTTCTCCTTC
TTCTTCTTCTTCCCTTCTTCTTCCCTTTTCTCAAACCCCTCTTCCAACCTTTCTCCTCTTTCTTGAACCTTCTTCA
ATTCGTCTTTCTCCTTCTTCTTCCCTTCTGTAAACCGTCCTCGTTTCTTAACAATTCGTGCCGCTCGTGGGAAAT
TCGAGAGGAAGAAACCCCATGTCAATATTGGGACAATTGGCCATGTCGACCATGGTAAAACGACTCTCACGG
CTGCTTTAACCATGGCTTTAAGCAAAGCCCCAAAGAAATACGATGAAATTGACGCTGCCCCGGAAGAACGAGC
TCGTGGTATTACGATTAATACAGCTACTGTTGAGTACGAGACTGAGAGTCGACATTATGCTCATGTTGATTGTC
CTGGACATGCTGATTATGTCAAGAATATGATTACTGGTGCTGCTCAAATGGATGGAGCGATTTTGGTTGTTTCT
GGTGCTGATGGTCCAATGCCACAGACGAAGGAGCATATTTGTTGGCTAAGCAAGTCGGTGTTCTTAATATGG
TGGTGTTTTTGAACAAGAAGGATCAAGTCGATGATGAGGAGCTTTTGGAGCTTGTGGAGTTGGAGATGCGTG
AGTTGCTTTCTTCTTATGAATTTCCAGGTGATGATGTTCCAATTATTGCTGGTTCTGCTTTGTTAGCTTTGGAAG
CTTTAATGGCTAACATAATATTGCTAGAGGTGAAAATGAATGGGTGGATAAATTTTGAACCTTAT

>trans_s_1876 NM_101596|Arabidopsis thaliana auxin-induced-related / indole-3-acetic acid
induced-related (AT1G17350) mRNA, complete cds

ATCTCCGACCACGTTGCCTGGTCTCGGACGGCTCCGGCTTCTTCTCGACGATATTGTCGGCAGGACTTCGCTCA
CTGCATCTATAAATTCGGCGGCTCGTCCCTGAACACGGGCGGCGCGACTTCCCTATCTTTTGACGCGGCGTCA
GTACCGGTGTGAAGTACCTCCTCTGTTGTAAGGGCTTGACTGGTGTGAAAGATGTCAAAATTGCGAGCACTCT
GGAGAGCTTCTGTAAATACAACAAAAAAGCTCTCGCTTGAATGTTGAGGATTGGATAACCACTACTGAAAA
ATACATATTCAACTTCAATTCCAAGCAGGAAGTTAAGAAATGGCATTATATTAGATTCTGAATATGGAGGAT
TGTCATCAGCGTCATTGGAAATCAGTGAAACTGGAAATGAGCTTCGTGGAGTTTTCTCTGGAAATCTCTCCTTG
GATATAAGTGGGAACTCAAATGGAACATAACCCGGAGTGGGTTTTGTGGAATGCGCTCCAAAAAGTTTTGAT
GGCTATTTTGATTTGGATTGCTATGATTCAATTGCAATGAAAGTTAAAGGAGATGGACGATGCTATATATCAA
CTATTTATACAGAGAATTGGGTGAACTCACCAGGACAGGAGGAAGATAATTCTTGGCAAGCATTITTTCTAGC
GCCTAAAGGTGATTGGTATATTGCCAAGATTCTCTCGATCGATATTTACCAACATGGAGAGGGAATGTAATA
GATGCAGAGTTGGAAATGAATCCATCTCGTATTGTTGGAATGTCTTTATCGGTTAATGCGGCTGGTCGCTTTCC
TGGTGCTACATCTGGGCCTGGTGACTTTCAAGTCGAAATCGATTGGATCAAAGCCTTGAGAACTCAGTGAGTC
AGTTTTGATTTTGTTACATATTAGAAATAAATAACTTAACATGATCCCTTTTAATCTCTGCTCCAATAAAAATG
CAAATTTT

>trans_s_1877 XM_002889808|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata secretory carrier membrane protein
family protein, mRNA

ACTAAACTAAAAGACAACCTGCTCCTCTTTCTTTCTTTCTTTCTCTCTCTCTACGATTCCATTCAATTTTAC
CGATTGAACCGTCGAACTTCTCGGGTTTCGCCTTTGAATTGCTTACTTCCCAAGTTTTTTCTCCATTTTCCCTG
TTCTTCAAATCAGATCTAAGGTTTTGCGATTCCACTTCTTGCCTTCCCTTGTCTACTACTGCTTTTGCCATGGCTG
GTCGCTACGACAGAAACCCTTTGATGAAGAAGAGGAAGTCAACCCCTTGCTAATCTGGAAGTGTCCCGC
TGCCACAAATTCAGACTTTACCTCTTCTCCAGAACCTGTTGATTTAATTATGGTCGTGGTGCAACTGTTGA
TATACCACTCGATTCAAATCTGAAGGATCAAATAAGGATTTAAAGAAGAAAGAGAAGGAGCTTCAAGCT
AAAGAGGCTGAACTGAGAAGGCGGGAACAGGAAGTAAACGGAGGGAAGATGCTGCAATCGGGCTGGAA
TTGTACTAGAGGAGAAAAATTGGCCACCTTTTTTCCCAATTATCCACCATGATATTGCAATGATATTCCTATTC
ATCTGCAAAGGTTGCAGTATGTTGCGTTTACTACATTGTTGGGACTAACTCTTGCCTCCTCTGGAACATAGTA
GCTGTTACTACGGCGTGGATTAAGGGGAGAAGGAGTAAAAATTTGGTTCCTTGCTGTCATCTATTTTATTGCTG
GGGTTCCAGGAGGGTATTTCTTGTTGATCGCCACTTTACAATGCATCTAGGAGTGAAAGTGCTATGAAGTT
TGGATGGTTTTTCATGTTTTATTGCTTCATATTGGTTTCTGCATCTTGTCTGCAGTAGCGCCTCCAATAGTCTTC
AGGGGAGAATCTCTGACTGGCATCTTACCTGCAATAGATCTTATTGGTCCCGAGTCTTGCTTGGGATATTC

>trans_s_1878 NM_001059868|Oryza sativa Japonica Group Os04g0520700 (Os04g0520700)
mRNA, complete cds

GGCGAAGAAAGAACGGGGGGGGGAGAAGCGTGAACCTTATCCATTAACCATTATAAAAAATGGTGGGGCCAAA
ACTCTAAATAATTTACAATTTGATTCTTCAGAGCAGTTGAATTTCAATTCAATTCAATCACAAAACAAGAAGA
AGAAGAAGAAGAAGAAGATCTGAAACTCCTCAAATCATCGATCAATTTTTTTCAATGGCGTCCAGGAGAGGC
GGCTTAGGATTCGATTGCGTTTTCACTCCAAACCTAACTACATCTATCCGGCGTCCGAGTCACTTCGCTATTC
TGAATCTTCTACCGAAAACGGCCTCTTTGAATTCGACGAATCGGATATTTGGACCTCCGCTACTACTACTCTCC
AACTCCCCGATGGAATCGAGAAAGATCTTCCGATCTCGAAGAACTCCCGAAGAGGAGTGGGTCTGCTGC
CACGGCGGTGGAGAAGGCGGTGAAGGCGTCTTCGTATTGCCAGTCAACATTCCGGATTGGTGAAGATTCT
GCAGAAGGATCAGAACAAGCACGGGCGGAGAGCGGTGGCGGAGGAGGATTTTGATGATAGTGACGACGAG
GATGACGACATTGACGGGCACCGCCGCATGAGTATTTGGCGAGACGGCGAGGTGATTGTTTTCGGTTTCAT
GAAGGGATCGGAAGAACGCTGAAGGGAAGAGATTTGAGAATGGTGAGAAATGCAATTTGGAAAAAACTG
GGTTCGAAGATTAATTTTAGATTAATTTTAGCTAAGCCTCATATAATCAGTACCGGAAATTATACTTAGAATA

ATGATTAGAGAATTTTGATGAAGTAAATTAATGTAATTTCCATAAATTTCTCCCTTTCTTCTCTCTCTCTCTCT
TTTTCTTCTCTTCTTTTGGATCAAAATGTGTTCTTGGTGATATCTGTATCAAAAACAGTGATTCTTTTTTGGTA
AATTAATTTCAA

>trans_s_1879 AY568722|Lycopersicon esculentum chloroplast-specific ribosomal protein mRNA,
complete cds

TTTCCCTTATTATCCTCATCGATTCCAAGTTTTGAAGTCGACGATGGCGACTCTCACCTCTTCCATGCAGGCCAA
TCTTCTCTCTGATCACTCCTTACCTCCTCCTCACCTTCTTCTTCTACCGTTTCTTACTTTCCCGCTCCCTTCTCTCT
TCGCTTCTCTGCGCTCAAAGTTCATGCTCTTCTTCCAATGCTTCTGCTTCTTCAACTCTTGCAAGAACTTTGGA
ACCATGAGACTGCATCCCGTAACCGTCATGCCTCAAACCTTTTCAGTATTCGGATGACCTGGGACGGCCACCT
CTCCTCTGTAAATTAATTGTCCAAGGCAAAAATTTGGAGTTGACTGAAGCAATTAAGAAGCACGTGGAAGAG
AAGGTGGGCAAGGCAGTCCAGAAGCACAGTCACTTAGTTAGAGAAGTAGATGTCAGACTTTCAGTTAGAGGC
GGGGAGTTTGGGAAGGGTCAAAGGATTAGAAGATGCGAGGTTACTTTATTCACAAAGAAGCATGGAGTTGT
ACGGGCAGAGGAAGATGCTGAGACCGTCTTGAAGCATTGATTTGGTATCCTCCATCATAAGAGGAAGTT
GAGGAAGATTAAAGAGAAAGATTCTGACCGTGGCCGACATGTGAAAGGATTTGACAGATCAAAAGTAAGAG
AACCTGCACCCATAGTAGTTGAAGATGAGGAAGAGGAAGTTTTTCAGGAAGATGGTGGAGAAGTTATTGACG
AGATTGTTTCGGACAAAATACTTTGATATGCCACCTTTCAGAGTTGAAGAAGCAATCGAACAACCTCAAGAATAT
TGACCATGATTTCTATGGTTTCCGGAATGAAGAACTGGTGAGATTAACATCTTATATAAAAGAAAGGATGGA
GGATATGGACTTATTATCCCAAAAGAAAATGGCACAGCTGAGAAATTAGAGCCTGTGACAGTTGAAGCAGCG
AGAGAACCATC

>trans_s_1880 AF446365|Arabidopsis thaliana At1g10950/T19D16_13 mRNA, complete cds

ATTCTATGGGTCTCTAGCAGCCATTCTTTTGGTACGATGGTGTGGTCTTGTGTCATTTGGGCTTTCATTTCTTTT
CCTTTGGCTCTTCTTGGTACGGTAATTGGACGTAACCTGGAGTGGTGTCTCCTAACAATCCATATCGTGTGAAGAC
CATTCCTCGTCTATCCCTGAGAAGAAATGGTACCTCACACCATCTGTTGTCTCCATGATGGGAGGATTGCTGC
CTTTTGGCAGTATTTTCATAGAGATGTATTTTGTCTTTACATCCTTCTAGAACTACAAGGTGTACTACGTATATG
GATTCATGCTGCTGGTTTTTCTAATTCTCATCATAGTTACTGTCTGCGTGACCATTGTGGGAACATATTTCTTGC
TTAATGCCGAGAACTATCACTGGCAGTGGACTTCATTTTTCTCTGCTGCTTCAACTGCTGTCTATGTCTACTTCT
ACTCAATATACTACTATTATGTGAAGACCAAGATGTCAGGCTTTTTCCAAACCAGCTTCTATTTTGGATACACTT
TGATGTTCTGCCTTGGGTGGGAATTCTTTGCGGAGCTGTTGGTTACCTGGGTCCAATTTGTTGTACGGAGG
ATCTACAGGAACATCAAATGTGATTAGGGGTATTTTGAAGCAGAAGACCTACGCTACCTTGAAGCATTTTC
ATAGTGGAGGCAATAACTTCGAGAAGCCCTCGACACATGGGAGGCCTAGCAGCGCAGTAATACCTGTAGAAA
TTAAAGATTTTGAAGTGGGGACATGTTCTTAGCTCTGAGATATTTTCTTTTGGTAATTGATGCGTTTTGCCCA
AGCTGTAATTGAATATCTTGATTTAGAGTTTGAAGATTGCTTTTCGTAATGTAGAAAAGTTGACCAAATTGTT
AGACCCGTGTCATTTTATAATATATATTTTTTTTTTGTCTTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1881 BT029202|Arabidopsis thaliana At4g02800 mRNA, complete cds

AAGAACGTTGGTTTTGGTTTGGGTTTTGGGTTTTCCCTCTCTCTCTATCTCTATCTCTCTTATTTAAAGAAA
CTAGAAAGCCTCCTTTTCCAAGACTAGCCGTTGCAATCTTCTTCATCATCATCTTCTTCTCCTTCTCTACCTCA
CTCTCTCTCATGGCAGCCTCTGTAGATTCTCCATCTTCTTCAAATCCCACCCAGGGATCGCCCTCATTGTCCAGT
CCCGCTCCGATGAGCGTTTTTGGAGCTTCTTCGAGGTAGGGTTGACTCGCTTCTCAGGAACGAGTTGCCAA
GTCTTCCAATCTGGATCCTTCCATGTCTGACCAATTCTGGGAAAATCGGAAAGGACGAAGAGGTTGAAGCAA
GATTCGTTGCTTTTGTCTAGAGTTTTGACTCTCTTGGCTATACTCTGTCTCAGCTTTCCAACAATTTGGATAAC
GCCTTGCAGGGTGCTAGGGATTTGGTCAAAGCACCAACTTTGACGGAGATCTTCCAGAACAACCTCAAGAACT

CAGAGGTTGAGGAAGATGATTCCAGAGGGAAAGAAAATGAGTTAGTGGAGCCCAAGCAAGCAACAAAGAG
GAAATTTGATGACAGTCATTGCTCAGAAGAATCAGATGTTAATTTAGAGAAAGAAAACCAGCAAAACCATAAA
GACAAGCTTAAAAAGGCCAAGAATCTTGCAAGTGGCAACAAAATCAGCATTTCTAGCAAGAGAATTAA
AATCATTAATAATCCAATTATGTTTTATGCAAGAGCGATGTTCCGTACTTGAGGAGGAGAATAGGAGACTTCG
AGACGGATTCTCCAGAGGAGTCAGACCAGAAGAAGATGATCTGGTTAGACTTCAAATGGAAGCACTACTTGC
TGAGAAATCCAGATTAGCAAACGAAAATGCAAACCTTAACAAGGGAAAATCAATGCCTTCATCAGCTTGTATAG
TATCATC

>trans_s_1882 XM_002879029|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kelch repeat-containing
serine/threonine phosphoesterase family protein, mRNA

ATGTGTTATGGATGGTTTTGAACGTTTTGCTCAAGGGCATTGATTACACTTTCTCGGCCACAAATTACTGCG
GCACTGCAATAATGCTGGAGCTATTTTAGTTCTTGGTCGAGATCTTGTGTTGTTCCAAAGCTAATCACCTT
TACCACCTGCAATGACTTCCCCAGAGGCATCTCCAGAACGTCATTTAGAAGACACGTGGATGCAGGAGCTGAA
TGCCAATAGACCTCCAACGCCAACTAGAGGCCGTCTCAAGTAACCAACGACCGGGTTCCCTTGCATGGATA
TAGCACATTGCTTGACACGTCCTTAGTTTATATCAAGTCTAGCCTCATGCTACTACCAATATGGCAGTTCTGGT
GTAATGTATAGAACACACGCCCCCTTGGCGAGTACCAGAACTTTGTGATAGTTGTTCTAATGGATATACGA
AGGCTGGAATTCCAATATTCACACACCTCAATAAGCCACCAAAAGGATTGTATAGATTCAAGAATCAGGTTG
TTGGTGGCAGTGATGTTTAAATGTTTGATGCGCGCTACAACCTACAAGATGTCGGGTTGACCCTTGTATCATCC
AATATCGGGTCACAAGCACAGGTGGTAGATGGTCTTTGTTGTTATTATTATTATTATTATTATTTTGGTC
CTATAGGTATTTACCATTTTCCAATGGTAGTTTTACAATTTTGTCTTTGGTGTCTATTATTTTCCCCATTTTAG
TGGACTTGCATATGATGGTGGGGTGTGATTGGTAGTGAAAGTAAACGCTTATTTGTATCATAGAGGTTG
TTGCTTTGTTTCTTGTACAATGTAATTGTGTGGAGAAAGAAACATACTTTTCACTTTGTCATGTCAAGAGA
GTTACCAAGTTTTGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_1883 NM_001052758|Oryza sativa Japonica Group Os02g0201000 (Os02g0201000)
mRNA, complete cds

AATTGACTCTGTTTTCCACTTGGTAAGGAGCCATCCTTATTCAATGGTTTATTTATTTCAACCCTTCTAAAATAAT
CTTCGACTGCTGGACATAATTCGAAGGCTTCTCTTTTACGGAACACAATCAAGAGAGGAACCTTAAGCCT
CTCCCCACCAGGATTTAGTGCTCTTCTTCCAACAATTTTGCTTGGAGACGCGTTAATGCATTATCCAGGGATATT
TGGCTTGTGCTTTAACAGATTATAACAGATGAGAAAAGAAGGCGTGAGGGATGCTGCTCTGCATCTGCACTA
GGTAATGCAATGGATGGGCCGTCTAAAGGTCTGAGAGTTAAAGACAAAGAAGCAAGAAACAATGCTTACCA
GAAAATTTCCCTAGCTCTAGCACATGTGAAATGGACAACAGTACAGTTTGGTCCCAGAGAAGCATGGCATCAG
CCCAATCACATGATTCTCAAAGCAATATTGGGAGCAGTACAGACTTTGTAAATTCTGGACTACTTCTTTGGAAT
GAGACCAGGAAGCAATGGGTTGGAAATAAAATGTCCAAGAGCCAAAAGCAAGTTCAGGAACCTAAAATAAG
CTGGAATGCTACTTACGACAGCTTACTAACAACGAACAAGCCGTTCCCTGAGGCCATACCTCTTACTGAGATG
ATAGAGTTTCTTGTGATGTCTGGGAGCAGGAGGGTCTATATGACTGAGCCTACAATTCAAGGGAGTCTTCAT
ATTGTTTAAATTTGTGCAGCTTGAATTTTTTCTCTGTCTGTTCAATTACGAGCAATCGTTTCGATGCTTATAGAA
CAAATATTAGTGTTTATGTTGAATTCAAGCTACCCATTTTGGATCTTTTCAAGAATGGGATCATTTTGAATAA
ATCTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_1884 AJ749993|Catharanthus roseus mRNA for 40S ribosomal protein S9 (rps9 gene)

GGGGCGCTTCTTTGTTTTCGTGTTAGGGCTTCCGATCGAGAGCGCGGCGGGCAGGGCAGGGAGTGAAGCC
GTACCTGACAACAAAACATGGTGCACGTCTCCTTCTATCGTAATTATGGAAGACTTTTAAGAAGCCTCGACGT
CCTTATGAGAAGGAGCGTTTGGATGCGGAACCTAAGCTTGTAGGTGAGTATGGGCTTCGTTGTAAGAGAGAG
CTGTGGAGGGTTCAATATGCATTGAGCCGAATCCGTAATAATGCAAGGATGCTTTTAACCCTTGATGAAAAGA
ATCCCCGTAGGATTTTTGAGGGTGAGGCCCTTCTAGGAGGATGAATAGGTATGGTCTTTTGGATGAGAGTCA
AAACAAGCTCGATTATGTCTTGGCTCTTACTGTTGAGAATTCCTTGAGCGTCGTCTCCAACTCTTGTGTTCAA
GTCTGGAATGGCTAAATCTATTCACCATGCTAGAGTGCTCATCAGACAAAAGCATATAAGGGTTGGGAGGCA
AGTGGTTAACATCCCTTCTTTCATGGTGAGAGTTGATTCACAAAAGCACATAGACTTCTCTCTTACCAGTCCATT
CGGAGGTGGACGCCCCGGAAGGGTGAAGAGAAAGAACCAGAAGGCAGCTGCCAAGAAGGCTGCTGGTGA
GATGGAGATGAAGAAGACGAGGATTGAGTACTGACACTAGAACTCATCATTTGAGATGGTAAAGATTAGC
CAAGGGTCTCAAGTAACTGAGATTAACCTCAACAACCTATTTCTGCAGCTAGACCTTTTCTCTATTGCATTGA
TGAGAATGTTACATCTCTTAGAAGTTTTGCGTTAATTTTCTTTTTTCATTTAGAGCTGTTTTTTCCGGTGGTG
AACTAGCTTTTATTTTTGGACAAGCGTCTGTTTGAACCTAGTTCATAGTTTTGTTGCCATGATTGGACTTCG
TACTCAA

>trans_s_1885 FJ771992|Vitis vinifera cultivar Cabernet Sauvignon stress induced protein (SIUP1)
mRNA, complete cds

TTTTAAGGAACCGTAGAGATGGTTAAGGAGCTTAGTGGAACATAAATACTTTTATGCCCCGTGAAAGAGGCGA
AGACCGAAGACATAACCGTTGCACATAATCACCTTCCTTCGTTACTTTTGCCGCAACAATATTCGATATTGATATG
TCTCTGTAGGCTCTCTGCCCCTGCAATTGCTATTAGCTCTCCCTCGCTTCTCTCTCTCACTCTCTCTCTCCCC
TTTTCTTCTCCTTCTCCTTCTCTGTCTTTATCGCTGTAATTGATGGAATTTGAACATTCCAACATGACTCCAAGG
ACAAAAGGCCGATCTCATCGTAGAGGCTCAACATAAACTGCGCAGCTTCATTGGAAGGCCAAAAGATTAAAGCT
TTGCCCTTCTCATTTGCCCCCTCCTCTGTATACAAAAGGTGAATCGTCTTTTGTGTTTTGGTTCTGACTCC
TGCACAAACTTCAGATTGCAACTGTTCTTGTGTTGCTCTGCGTCTGTGAATCCTTTATAATCTTCCTCAAATACCC
AGAACTATCACAACTGCTCTTCATTTCAGGACATTTTGGGATTAGCTGCAGAATTTTAGAGTTTAGAGGTTG
ACGTTGTATTAATGGGATTTGTGGAAGGCATAGAATGGATGAATACTTACAGTAGGAAGCAATTCAAGAAAC
TGTTCTGGAGGATGAGAGCTGCAATGAAGAAAGCCATCAAGAACGGAAGCAAGCAGCAGTTCAGGTTTCAGT
ATGATCCTTGAGCTACGCTCTAAATTTGACGATGGATTATGCAATTTGAAGCTGTGCAAGTGAACACAT
GCAAAGTTTCAAGCTAGTTCAAATTTGAATCACTCTGCTATGTGGGGTTTTTGTACTTTTGGTGAAATCTGAGT
GAATTTTCTTGATAGGCAGATTGACTCTTGCCTGTTTCAATTTCTTCTCATTCTTGATTAGAAAACATCT

>trans_s_1886 DQ191669|Solanum tuberosum ribosomal protein S6-like protein mRNA, complete
cds

ACAACCTTGAAGATGAAGTTTAATATCGCCAATCCGACTACTGGATGCCAGAAGAAGCTCGAAATCGACGATG
ATCAGAAACTCCGTGCTTTTTTTGACAAGAGGATCTCCCAGGAGGTCACTGGAGATTCCCTCGGAGAGGAATT
CAAGGGCTATGTTTTTAAGATTATGGGAGGTTGTGACAAGCAGGGTTTCCAATGAAACAGGGAGTTTTGACC
CCTGGTCGTGTCGTCTCTTGCTACACAGAGGAACCCCTGTTTTCGCGTTATGGTAGGCGCAATGGAGAAC
GCAGAAGGAAGTCTGTGCGTGGATGCATTGTGAGCCCTGACCTTTCTGTTCTGAATCTGGTTATTGTGAAGAA
GGGAGATAATGATCTTCTGGCTTGACAGACACTGAGAAACCAAGAATGAGGGGTCCAAGAGGGCTTCCAA
GATTCGCAAACTTTTCAATTTGTCAAAGGAGGACGATGTTGCAAAAGTATGTTAACACATACCGTAGATCATTCA
CCACAAAATCTGGCAAAAAGGTTAGCAAAGCTCCCAAGATTGAGAGGTTGGTTACTCCACTGACCTGCAGAG
GAAGCGAGGAAGAATTGCTGAGAAAAAGAAGAGAATTGCGAAGGCCAAGTCTGAGGCTGCCGAGTATCAGA
AGCTCCTGGCCTCTAGGTTGAAGGAGCAAAGAGAACGTCGCAGCGAGAGTTTAGCAAAGAAGAGATCCAGA
CTCTCTGCTGCTTCAAAGCCATCCATTGCTGCTGCTTAGTTTTGCTTGCAATTGTTGGTGTGAGTGTCTATTATCT

ATATATTTGCCATTTTTTTCTTTCAAGAGTGAATATTTTGC GGCCGCTTAATATGAGATCTGGAACGTTTTGGT
AGTTTTGATGTTTGTTAGTCCACATTTTCTTCTCCCTTTGTTTATGGATTCATGCATACTGTAAATTGTTGTTTCT
CACCATAA

>trans_s_1887 AF404403|Glycine max acyl-CoA oxidase (ACX1;1) mRNA, complete cds

ATGTGACTCAGAGACTGGCTGCCAACGATTTCTCAACCTTGCCTGAGGCTCATGCATGCACTGCAGGGTTGAA
GTCAATCACAACGGCTGCAACTGCTGATGGGATCGAGGAGTGCAGGAAGTTATGCGGTGGCCACGGCTATCT
CTGTAGCAGTGGGCTTCCTGAGTTGTTTGCTGTTTACGTCCCTGCCTGTACATATGAAGGAGACAATGTTGTGC
TACTTTTACAGGTTGCACGATTTCTTGTAAGACCGTATCCCAGTTGGTGTCTGGGAAGAAGCCCGTCGGTAC
AACAGCTTACATGGGACCACTTCAACGTCTGATGGAATCCACTTGCAAAGTTCAGAAAGCTGAGGACTGGTTA
AATCCAAGCATCGTTCTCGAGGCTTTTCAAGTACGGTCAGCTAGGATGTCTGTTGAATGTGCCAAGAGACTTA
GCCAGTTTACCAATCAAGAAGAAGGTTTTATGAACCTTCTCCTAGTTTAGTTGAGGCTGCAGTTGCACATTGC
CAACTAATTATTGTCTCCAAATTCATTGAGAACTTCAAGGAGACATACCTGGAAATGGAGTAAAGAGCAAC
TGCAGAACTTTGTAGCATTTATGCTTTGTATACTCTACACAAACACTTGGGTGATTTTCTTCCACTTCCACCA
TCACTCCCAAACAGGCTTCACTTGCTGATGATCAACTTAGATCTCTATATGCCCAGGTTGACCAAATGCAGTT
GCTCTTGTTGATGCGTTTAACTACACCGACCATTAACCTTGGCTCAATTCTTGGCCGGTATGATGGGAATGTTTA
CCCGAACTCTACGATGAAGCATGGAAGGATCCCATGAACGACACGGCTGTGCCTGATGCCTACCATGAATAT
ATCAGACCATTGCTTAAGCACCAGCTCAAAAATTCAAGGCTATGAAGAATATCGTATGGTGTAAACAAAATGTT
ATGCTCTT

>trans_s_1888 XM_002890363|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F2D10.32, mRNA

GTAGTCCAACCGCCATGGCAGTGTCCATGCCAACACCTTGGATTCTTGTCCCATTTCATCGCCTTCTTCCTCAAA
TTCGTTACAGTCTCGCCCAACCAAGAGAGAATGCAAGCCAACAAGAGTTTTCTCTGCCAATTTCAAGAAG
GTCTGCAATTTTGATCTCTTCGCTACCTTTCACTCTCGTTTCTGTATCTCCGTCAAAGGCAAGAGAAAGAAGGA
ACAAGAGGACCATTCTCTCGAGGATTATCTCACCAGCCCAATGGACTGAAGTACTATGATGTTGAGGAGG
GAAAGGGCCCTGTGGCAGAGAAGGGTTCCACGGTTCAGCTTTCTATTACAGGTGCACCTTTGATTGCCTCTATA
GAGGGATTACAGCTGTGTGAGTCGAGAATCTAACTCTTGGCTGGAAATCGTGTTATCGCCAGCCTTATGA
GTTCAAAGTAGGAGCCCCGCCTGGGAAGGAGCGGAAACGTGATTTTGTGGACAATCCAAATGGTCTGTTTTT
AGCACAGGCTGCACCTAAACCCCCACCAGCAATGTACTCCATAACTGAAGGGATGAAAGTTGGGGGAAAGCG
AACGGTGATTGTTCCCCCTGAGGCTGGATATGGTCAAAAAGGAATGAATGAAATCCACCTGGAGCTACTTTT
GAATTGAACATCGAGCTTTTAGAAGTAGTGCAGCCTGAAAAAGGTGGGACCTGACCTGATTGAGAACCCAGA
TTTTTGATCCTCCACTGAACAAGAATTTGAGCATTCTTTAGGAAGGACGAGGAGGAGCACAACAGCTGGTCTT
TGGTAGGGGGAAGTTTTCTAGGAAACCTCGAGTTCTTTATTTACTTGCCAATATTCGCAATGTAATCAAAATGT
TAAATCATTTGTTTGGCATCTTAGCTTGACACATTACGGGCCCTCTAAATATAACAAAAGCCTCCATCTTCTTA
GTGCCAAAAAA

>trans_s_1889 BT012600|Arabidopsis thaliana At1g55340 gene, complete cds

AAAGAGAGGAAAAGAAAGAGAAGAGAGCTTCTGTGCGTGCAACTGAACTGAAGAGCGGCCGATTTTTCTTCC
TCTGTTTCCTTTGAATGCTAAAATCTAACTCTGACCCATTAACTTTAATGTCTCTTCTCCATTCTAGCCACTTTT
CTCCTCTTCTTCTTTGGAAAATCTTTTTGCCATTTCCATTTTTCTCTCTGCTGCTTCATCGCCTCTTTTGCTACTTTG
GATTCTTCTTCCATTGCAACTCTTGTTGATGATGATTATGAATACCGATGCAGAAGAAGCCTTTTGAGAGGG
TTATTAGAGGGAAATTGTGTTGATGATTCACTGATTTTGGGGGTTGGATCTTGAGAGATATGGAAAAGGAA
GAAATAGGTCAGAAAAGTAATAAATCTGGTGAAACAGATTTTCTGTTGCAGTGGGGGAACAGGAAGAGGAT
GAGATATATGAAAGTTAAAGAACCACAAAGAATTACTAGTAAACCCGATTGTTTGGGAAAGAAGAAAGTTTC

ATCTAAAGGGGATCGTCGTGTTGTTACAGCTGAGAAAGCTTCATCTACTCAACAACTCATCGCCTTAACAAG
AGCATTGCTTCACCAACTGACAACCAAAGAACAACCATAACATCACCAGAAAAGGAAGATCGATACTATACGA
CAAGAGGTTTCGATGGGTGTGGATGAAAAGGTCTCAATAGACCACCCACAGGAAACGACCGAAAAGGGTTT
GTCTGGCCAAGGCTCTATATTTCTCTATCTAGCAAGGAAAAGGAAGAAGATTTTCATGGCCATGAAAGGGTGT
AACTTCTCAAGACCTAAGAAAAGAGCCAAATTGTTACAAAAAGCTTAGTTCTGGTGATGCCAGGTTTCATG
GCTATCCGACTTGTGCCCAGAAAGGTATGAGGGGAGGGAAAAGAAGACTTCAAAAAAGAAGACCCAGAGGA
TTGAAGGTCATG

>trans_s_1890 XM_002873222|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FAD linked oxidase family protein,
mRNA

CGCGATAATGTCATCAATCTAAAGGCAGTCCTTGCCAATGGTGATGTTGTCAAGACCGCATCTCGTGCTCCAA
AGAGTGCTGCACGGTATGATTTAACCCGTCTGATGATTGGAAGCCAAGGAAGTCTTGGTGTAATAACTGAGAT
CACTCTGAAACTTCAGAACTTCCACAGTATTCAGTGGTTGCAATGTGTAATTTCCCTTCTATTAAGATGCTGC
AGATGTTGCTATTGCAACTATGTTGTCTGGTATACAGGTGTCAAGAATGGAGTCGATGGACGAGGTTCAACTG
AGGGCTATCAATAATGCTAATGGAAAGAATTTACCTGAACTCCGACACTAATGTTTAAATTCATACGCACAG
AGGCATATTCACGTGAGCAACAAAAATTGTTTCAGCAGATAGTTTCTGAACACAATGGCTCAGATTTTGTCTTT
GCTGAAGATCCAGAAGCCAAAAAAGAACTGAGGAAGATAAGGAAGGAAGCGCTATGGGCATGCTTTGCATT
ACTACCCCATTTTGAGGCAATGATCACAGATGTATGTGTTCTCTATCTCACCTTGCGGAATTGATATCAAGTTC
TAAACGAGAGCTAGATGCATCCTCACTCGTTTGACGGTCATTGCCCATGCTGGTGATGGAACTTTTCACACG
GTGATCCTGTTTGATCCAAAGGAAGAAGAGCAACGGANAGAAGCTGAGAACTCAACCATATGATGGTCTAT
AAAGCATTGTCAATGGAAGGAACATGCACCGGCGAGCATGGGGTTGGTACAGGAAAAATGAAGTACCTGGA
AAAGGAACTGGGCTTGGAGGCATTGAGGACAATGAAACGAATAAAGACGGCGTTGGGATCCAACAATATTAT
GAATCCAGGAAAGCTCATACCTCCCATATTTGTTTCTGAACAATCCATTTTATGTATTTATATGTAAACAACT
TCTCTTAAATAA

>trans_s_1891 GQ845013|Jatropha curcas alpha-carboxyltransferase subunit mRNA, complete cds

TCATTGCAACAGAAAAGATCTAAAGGATATGATTGAATTACTGAAATTAGAGGTAGCTAAGGCTGGAAAGA
CGCCAGATGCAACCTCGAAAAACAGAATTGGGGCTCTCAAGCAGCAAATAAAGGAGAGGCTTGCTGCCGCAT
TGTATTCTTCAGACTTGAAGAAGAAACATGAAAACTGAGGGAAGAGATATTAGAACTGCCGAATCAGGGT
TCGATCCTACGGAAGGTGATAGTTCTGTGTATGGTGATGCCAGAATTCAGACAAATTCGGGTGCTGAACATAC
ATTTGCTTAATTGGTTTTTAACACCAGTACGGATGACCAGGACCATGTTTAAGAAGAAAAAATTTGATGTAAC
GGAAATTAGTTAGAGCTTCTACAATGGCCAGAAAACAAAGTTAGCCATTTCCGCTTCTAACCCGATACGACATT
GCATGGTTTTGATAGGTTACAAGATGTAGCATGAAATGAAATAGGAGCAGGAGAAGGACACGGCAGAGCTA
CATTTTCATTTTCTGTTCTCAGGGATATTTCTTCCGAAATTAGATCTCTTGAGTTTTAAATTATTTAATCTGG
CTTCTGGTTTTGTTGTTGCTGTGTTTCTATTTTTTCATGAATAGATCCAAATAGCTTTGTATAGATTGCAATAGT
ATCTTGAGGCTAATAATGTTTTTCATACTCTTTAAGTGACACATCTCCCACTTTTGATGATTGATCATGGTTGT
TCAGAAACTAAACATCCACCCTGGTTAGAACATTAATTTGGACCAAAGGGTTTAATGGTCTGTTCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1892 XM_002882439|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidyl-prolyl cis-trans isomerase
cyclophilin-type family protein, mRNA

AAGAAAGTAGAAAATAAGAAAAAAGAAATTAATAAAATTCAAACGAAAACCTCGAACTCAATATTCTTCCTGTT
TCGAACAAAAGGGCCACCGAATTCAGAAAAAAGAAAAGAATCCCTTCCAAGTCCAGATTTATTACAT
CTACAGAGAAATTTCTCGGCGCTTTGAGAAATTTCCGTGGAACCTTTCTGTAGCTTGAACTGAGAGTTGATATT
ATGGCAAAGATGAAGCCGCAAGCTTTGCTTCAACAAAGCAAAAAGAAGAAAGGGCCTTCGCGGATTAGTCTT
ACAACAATTCTCACGTGCAGCTTGATTGTTGCTTTGTTTGTGTTTTCTGCATACCTCATACAGACATTGGTCT
CATAGGTCAAAATTACAATTAGAGAATGGGTTTTCAGGTTCTGAGACTGAAGCCTCTCTGATGGATGCAAAAA
AGTCAGATCTACCTGGATATGCTGTTTTCAGTACTTCAAAGGGCACAATAGTTGTGGAACCTTACAAAGAAAG
TGCCCTGAAGTCGTTGATGAGTTTATTGATTATGTCAAAGAATCGTTTTAGTGGAATGCTGTTTCATCATG
TGATAAAACACTATTCAATTCAAGTGGGCAATAGCCAAGATCTTGGGGTCGCAGAAGATTGGATTCTGGGAG
GAAAGCATCATAGTCAGCCTGATGCAAGTTTAAACACGACGCCTTTTTAGTCGGCACACCAAGGGGGAAAC
CTAAGAACAAAGGATTTGAGATTTTCATTACAACCTGCACCAATTCCAGATCTTAGTGAGAAGCTGATCATCTTC
GGGCAAGTAATCAAGGGCGAACACGTTGTACAGGAGATTGAGGAGGTGGACACAGACGAGCATTATCGACC
TAAATCTACAATCAAAATAAACACATAACCCTGAGAAATGAAATATGATTGGGCTGCGTTTGGACATGGAGA
GCATTTAGCATC

>trans_s_1893 NM_103714|Arabidopsis thaliana emb2191 (embryo defective 2191); catalytic/
hydrolase/ zinc ion binding (emb2191) mRNA, complete cds

TGGGTTTTCCGCCCTCCGTCTTCCGTCTTCGTCTTCGTCTTCGTCTTCCTTCTTCTTCTACTTAACTCATCCT
CGCCTTTCTAGTTTAAGATGGATTCTTCAGTGAGGATTGCTCTCCGGTACTCTTAGATTTATGGAGCTTGCC
ATTCAGCAGGCCAACTCGCACTACACAGCCTTGAAGTGCCTGTGGGCTGTGTGATTGTTGAAGATGGGATG
GTCATTGCCACTGGAAGAAACCGCACTACTGAGACCCGAAATGCCACCAGACACGCAGAGATGGAAGCTATT
GATATCCTGATTGAGGCATGGCAAAGAGATGGACTTTCAACCTCAAAAGTGGCTGATAAATCTCGAAGTGCA
AACTTTATGTTACCTGTGAACCATGCATTATGTGTGCTTCTGCCCTATCAATAATTGGTATAAAGGAAGTATATT
ATGGTTGTGCAAATGATAAGTTTGGTGGATGTGGATCTATATTGTCGCTTCACTTAGGTAGCGGGGAGGCACC
TACAAGCGGTAATGGGCTAGGAAGGGGGTTCAAATGTACTGCAGGAATAATGGCATCAGAAGCAGTTGGTCT
CTTTCGAAGTTTTTATGAGCAGGGGAATCCCAATGCTCCAAACCTCACAGGCCTCTTGTTAAACATCAGGCAG
GCCAATGAGAGGCTTTTGAAATGAGGTTACTTTTGTTACGATTCTGTTCTGTGAAACAGACATTAGCAGT
GAGAAGAGCTTTTGAATTCGGCAAAGACGAACGATGGATGAATTTCAATGCACATTTAGTACCCGTCTCAACA
ATATCAGTTTTTGAGCTTGAAGATGCCTACCTCGAGGTTATGATATACAATATCTGTCCCTTTGCCATTGGAAC
TGCTACCTGAACTAGTCTATACGTTACATATTGATTCAAACCTCGAATTTGTATTAATCANTTATATCTACTAT
GAA

>trans_s_1894 AY850141|Glycine max senescence-inducible chloroplast stay-green protein 1
(SGR1) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GAACCTCCATTTCTCACATCCGTGATACACGACAATGGGTTCTGTTCTGATTCTGAAAGATGAAGCTGAAGAA
GAAGACCCGTAAGTTGTTATGCGTCTTCCATGGCCTTTTATTGTGTTCTGTTACTCTTTTTACCGTTGCCAGGCA
AACCAACTTCAAATTAGTTCAAAGGAACAACCCTGCTCTTCTCTTTCTTATTCTCTACCACTCGGGCTTCTTA
CAAACTCTCGTCTCTGAGGCTGTTAGGATATTGGTTCCTCCAGCAAGATTTGAAGCTTCCAAGTTAAAAGTTG
TGTTCAGTAGAGAAGTGACAAAGTCTGCAGGAATTATCCCGAGAACATATATTCTATCACATTGTGACTTTACT
GCTAATCTCACCTTAACCATCTCTGACGTTATCAACCTTGATCAGTTGAGAGGGTGGTATAACAAGGACGATGT
GGTTGCTGAGTGGAAGAAAGTAAAGGATGAAATGTATCTTCATGTGCATTGCTATGTGAGCGGTCCGAGTTCT
TTGCTCGACGTTGCTGCAGAGTTTAGATACCACATATTCTCCAAAGAATTGCCTCTTGTGCTTGAATCTGTTCTG
TATGGAGATTCAATTCTGTTTGGGGAGAACCTGAGCTCCTAGATTCTTGGTCAGAGTATATTTTCATTCTAG
TTCACCAAAATACAATCGACTCGAATGCTGGGGGCCACTCAAGGATGCTGTACTGGGGAGGCATCATCATATT

CAAGGACTCCTGAACGGAAGTAAGGATGTGTCCTCTACTAAAAAGTTGAGAAGCCCCAAATCAATCTTTCAAG
CTCTCTTTGCTTTCCTTCTGTGAACTGCATTGCATAAACTGGTAAATTGTTATAATGTTAATCTTTCAGAAATAG
CTATCTTTTAAAAGTTTAAAACCTCCATTTAATGCAATCTTTTGTGGATGAGCAAGGGTACTCTTGTTTTGT

>trans_s_1895 U48590|Lupinus albus isoflavone reductase-like protein mRNA, complete cds

AAGGTGAGAATTAAGAGAATAGAAAGAGAGAGGAAAAAAATGAGAGTTCTTGTAGTTGGAGGAACAGGCTA
CTTAGGGAAGAGGATTGTCAAGGCAAGCCTTTTGAAGGGCATGAGACTTATGTAGTTCAAAGGCCAGAGAT
TGGACTTGACATTGAGAAGCTTCAATTGCTCCTTTCCTTTAAGAGACAAGGGGCCATCCTCGTTCGGCTTCTT
TCTCCGATATCCAGAGCCTCGTTGATGCCGTGAAGCGTGTAGATGTCGTCATCTCCGCCCTGTCCGGTGTTTCAT
TTTAGAAGCCATAGCATTCTCCTTCAACTCAAACCTTGTGAAGCCATTCAAGCTGCAGGGAATATCAAGAGATT
CTTGCCATCAGAATATGGAATAGATCCATCAAGAATGGGAAATGCAATTGAACAAGGAAGAGACACATTTGA
TCAAAAAATGGTAATAAGAAAAGCAATTGAAGAAGCAAATATTCCATTTACTTATGTGTCAGCCAACTGTTTTG
CTGGTTACTTTGCTGCTAACCTCTCTCAAATGGAGACTCTTGTTCTCCAACCCATCAAGTTACAGTTTATGGTG
ATGGAAATGTTAAAGTTATATACACGGACGAAGATGACATTGCAAGGTACGTTGTGAAGGCAGCAACTGATC
CTAGAACATTGAATAAAACAGTGTATATTAGGCCTCCACAAAACATTCTCTCCAAAGAGAACTCATACAGATT
TGGGAAAAGCTTTTCTGGAAAAGTATTGGAAAAGATAAGTGTTTCTGCTCAAGAATTTCTTGCTAATATAAAA
GATCTGGACAAAGCACAGCAGGCTGGAGCGGGACATTTTTATGAAATATTCTTTAAAGGTTGTTTGACAAATT
TTGAAATAGGAGAAGGAGCTGAAGAAGCTTCAAAGCTTTTTCCGGAAGTGAATTACACTACCATGGATGATTA
TCTCCAGATC

>trans_s_1896 NM_001189300|Oryza sativa Japonica Group Os10g0500000 (Os10g0500000)
mRNA, complete cds

CTTATTACAAAACCCACACACACACACTCTCTTCTAGAGAGAGAGAGAGAGAAAAGAAAAAGAGAGAGAAGGCG
GAACTCGCACGCTGCCTACCCACTTCTAGAGAGAGACAGACGGGCTCTTTTCTTCTTCCACAGCGAATTAGG
GTTTTTTTCTCCCTTTTTCTGGAGTTGAATTTTCGTGGAATTGGTTGTGTTTTGCTTCTTCTTCCCTTCGGGT
GGAGATGTATGTTTCTCCATGAGAAAGTCGTTCAAGGACTCTCTCAAAGTGCTTGAAGCTGATATTCAGCAT
GCTAATACTCTGGCATCAGAGTTCCCGGGGAATACGATGGCCCCTGCCTTCAGATGAGAATGTCATACAGTC
CTGCCGCTCACTTGTTCTCTTCTAGTGCAATGGACAGACTGCCATCTTGCAGGAGCGCTTGGACTGCTGAGG
ATTTTGATTTACAAGGTCTACGTGGATGGTACAACCACCATGTCTACCCACGAGAGAAAAGCAAGCATTAGGG
AATTCTATGCTGTTATTTACCCCTCTCTATTACAACCTTCAGAGAGGTGTTACTGATACTGAAGATAAAAAGCAA
AAAGCTGTCTGCATGGAAAGGTACCGAAGAAGAGACGACGATGAATGTATACAGCGTTTCAGATGCTGACATT
GAACGGGAAGAAGAATGTGGAATATGCATGGAGACAACCTAGCAAGGTTGTATTGCCCAACTGCAATCATGCC
TTGTGCTTGAAATGTTACCGTGAATGGCGAACACGTTCTCAGTCATGCCCGTTCTGTCTGTGACAGTCTTAAGAG
AGTAAATTCTGGTGATCTCTGGGTATTTACTGATAACAGGGACATTGTGGACATGGCAACGGTGACTCGAGA
GAATCTGAAAAAGCTTTTCAAGTACATAGATAAATTGCCTACTATTGGTCCAGACTCCCTTTTCGACGCCTATG
ATACCACCT

>trans_s_1897 EU001743|Gossypium hirsutum trans-2-enoyl-CoA reductase (ECR2) mRNA,
complete cds

ACTTTCTTCTACTAATCCATGGCAAATTTTTCTTTAATTAAGAATTTAGGTTACGTTCAACCCAATAAATTTA
TTCAGTTGGCTGTGCCTCCAGCATCACTGATCAAACGATGTGTGCAATTGCAATTAGGAGATGATTAGCG
ACACGGTTCATCAGTCATCGGAATTAGCTCTCCTACCCCAACTGCTCACCATTTAATAGCCTACTTCCCAACCTC
CCACTTCAAACCCAGAACTTTTTCCAATTTTAAATTACACCCATTTGCGGATCTCATATATTCATTTTTTG
GGTCTGGGTCTTCTCATTTTGCTCTTTTAGGATCTGGGTACCAATTTTGGCTTTTTTCCCAACTGGTCTCT

AATTTGGCTGCAGAAATGAAGGTCTCGGTAGTTTCTCGCAGTGGGAGAGAGGTTGTTAAAGAGGGTATTCAA
CTGAGCGACTCTGCTTCGGTGGCAGATCTACAGGATGCGATTCATAAGCGAACCAAAAAAGTTCTATCCAGCTA
GGCAAAGGCAAACCTCTCCCGTTCAACCTGGTTCGAAGGAGAGGCCTACTGTTCTTAACTCCAAGAAAAGCCT
CAGAGAATATTGTAGCGACAACCTCGGACAGCATAACTGTTGTCTTCAAGGATTTGGGCCACAAGTTTCTTATC
GTACCCTCTTTTTCTTTGAATACTTGGGTCCATTGATCCTCTACCCCATCTTTTACTACTTCCCTGTATATCAGTTC
TTTGGCTACCAAGCAGAACGTGTTATCCATCCTGTTGAGACTTACGCAATGTACTACTGGTGTTCCTACTATTC
AAAAAGATCATGAGAACATTTTTCTGTCATAGGTTGAGCCACGCGACCTCACCACCTTTCAAATGTGTTTCAGAAA
CTGTGCTTACTACTGGTCTTTTGGCTCGTATATTGCATATTATGTCAATCACCCAACCTTTATACCC

>trans_s_1898 EF427896|Malus hupehensis arginase mRNA, complete cds

TGCTCTTCCACAGCGCATACCTTATTTTATTGGCTCACTCTCACTTTTGCAGTTTGCTCTTCCGTTTCAAATTTCC
ATTCACTCGTTCCCTCCATCAGCTCCCTCGTTCTTCATCAAAATGTCAGTGTTGGGACGGAGAGGAATTCATTA
CTTTCAGAAACTAAATTCTGCAAAATATCCCTCCGCATTGATTGAGAAGGGTCAGAATCGTGTTATTGAAGCAT
CTCTAACACTCATTCTGTGAGAGAGCGAAGCTCAAGGGTGAGCTTGTGCGTGCTCTAGGAGGTGCTGTAGCAT
CAGCTTCTCTTCTTGGAGTTCCTTTAGGACATAATTCATCATTTTCTTCAAGGTCCAGCCTTTGCACCTCCTCGGA
TCAGGGAGGCAATCTGGTGCAGGAGCACAATCCAACCTACAGAAGAAGGGAAAGAACTTACTGACCCAAGA
GTGCTGACTGATGTTGGCGATGTCCCTGTCCAAGAGATCAGGGACTGTGGCGTAGATGATGAAAGATTGATG
AAAGTTGTGAGCGAGTCTGTAAAGCTGGTGATGGAAGAGGATCCACTACGCCCATTTGGTTTTAGGAGGCGAC
CACTCTATATCTTACCCTGTTATCAGAGCAGTATCTGAGAAGCTTGGGGGCCAAGTAGATATTCTTCATCTAGA
TGCCCATCCTGATAATTATGATGCTTATGAAGGAACTATTTTTCGCATGCTTCTTCTTTGCACGAATCATGGA
AGGTGGTTATGCCAGGCGACTTTTGAGGTTGGTATAAGATCAATATCACAAGAAGGACGAGACCAGTGCAA
AAGATTTGGAGTGGAGCTATATGAAATGCGAACATTTTCAAGAGATCGTGAATATTTAGAAAATTTGAAATTG
GGAGAGGGCGTAAAAAGTGTTATGTTTCATAGATGTCGACTCTTTGGATCAGCATTTGCTCCGGAGTGCTCAT
ATTGAA

>trans_s_1899 NM_122077|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related
(AT5G20700) mRNA, complete cds

CAATCATGTTGGCCAAAGGGCAACGTCCGGTCATCGGCAGGTTATCCGAGCTTCTCGTCTCCCGCTGCCGTCC
GGCCTTCTCGAAACCGGCGCCCCAGCCCCACTTCCCATTTGACCTCTCCCTTCTCCTAGACCCACCAATCT
CAAAAATTACTCCGCCGCCGTGGACTCGGCATCGTCGCCGCCCTCGATACCTCCACCTCCGGTGTCGGTGGAT
GTGAAATTTTAGTTAAACACGCTGTTTGTTCCTTCAAGTTGAATTTCCCTCGCCGTCCTGCTCCGATCCCCATCA
CGTTCTCGCCGGAGGAAGACGACGAAGGAGAAGAACTCGACAACCTGGAGGAAAATTACACTTACGTTACCA
CACGTGGACCTTACGAATCCTCCACACGTGTTTACTACGACGGCGGTCTCGTCGTCGGTCAAAAATCGCCTCCT
ACGCCCCGTACCCTCCGATCAAACCTCCTCCGCGTCGGACCCCTGATTTCTCCGATCTTGTCATTTATGTGATAAA
AATCTAGAAGGCAAAGACATTTACATGTACAGAGGGGAAATGGCGTTTTGTAGTACGGAATGCCGGTCGAGT
CAAATAATGAAGGATGAGAAGAAGGAACGATGTCGATCGGAGGCGAGATCGGGAACGGAAACGGTATCGG
AATCGCCTTATAACAGAGGGATTTTTTCGACTGGAATTCTTGCAATTTAGGTAAAGAACAGAAAAAAAAAAG
AAATAGAGGAAGAGGAAGAAGAAGAAGGCAAAAGCCATAGCAGCAAAGTATATAGAAAAGTTAGACA
CGGCTAATAGTTTGGTTTTTGTATTATTGTATACGTAAATGACTAGTGGGGGTGACAAATTATTTTTGCCCACTTT
CTTGTATGAGAAATAATTAATAATAGAGAGCAAAGGCTAAATTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_1900 AF289052|Arabidopsis thaliana reduced vernalization response 1 (VRN1) mRNA,
VRN1-Ler allele, complete cds

>trans_s_1901 AJ344551|Pisum sativum chloroplast mRNA for Tic62 protein

>trans s 1902 XM 002871540|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutaredoxin family protein, mRNA

TTCTTCTTCTTTCTTCTTTCTGCTTCTTCTTCTGCTTCTTCTCATCTCTCTCTCTCTTGA AAAAATTA AAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAGCAAAACAGCATTCTTCGCTTACTAGCTACGCATATAGGAGATTCA GTTTCTTTTCTCATCAA
ACCATTATCCAACCTCAAAAAAACCATCGCTTAAACAACCCCTTTTTCTGCTTCTTCTCTCTCTCCAGAGTCA
TTGCCTTCTTTTCTCCATCTTCTGCTTTCAATTTACGTTTTTCTGGTAGGTAATTTAATTTCCCTTCCTCACTATT
GAATTCGTATTTGGGTCCATGGCCGAATTTGATCGAAGGACGAAATTTACAAAAAACCTAAGGCTTCCTTCT
TCAATCGTCCCTTACCTTGCACTCCTCCTCCAGGGATTCTCCACCAAGAAACCCTACCTTCGAGCCTCTCCCA
ATAGGAAGGATTCTGTAAAAAGAATTACAGCCCTTTGGAGAATTGGTCAAGATTCTTGAGGGGTTTCCCATT
CGGGAACCCGGGTTTGTCTGTGAGGGTTGTGGAGATGTAAGGTTTGTTCTTGTATGACTTGCA GTGGTAGCA
GGAAGGTATTTGACGAAGATGAACAAGTCTGAAGAGGTGCTTAGATTGCAATGAGAATGGATTAATTCGAT
GTCCTGAATGCGCTTCTGAATCTTCTCGAAAAGGATGGAAGGAACAAACCAACCGATGTTCTTCGGTGTGTA
TGTCAGATGCTTTGTTGTTGATAAATAATCACTAAACCCTCACATTATTGATTGTGGATGTGCCTACATAAGTTT
GGAGTTTGGACTCTTTGGTTAATGGTTTATTGTTTAGCCAAGTGTTTCATCAGTTGGGTACTGGTGTT CATGTAC
TTTGTGAACAGCATTTTGGGAATAGTGTATGTTATCAATGTGCAAAGTCGAGTCATGTTTTTTTTT

>trans_s_1903 AY105830|Zea mays PCO092732 mRNA sequence

AGATTCCACCATGGAGTCAAGGTATGGATTTCTGAGAGGCACATTAAGAGCACCTGCTGTTGGTTGGATGATG
TATAATATACTCGTCAGCAATGAAAATGCAATTGAATCACAGTATAAATCTCATGTCTATGCCAACCTGAAAA
TGTTACTCAAGAAATTATTGAAAGCAGATATGCACTGACTAAAAGAGATGGCGCTCGTTATGTGCCTGCTGCT
TTCTTGACTGGTCTTCTCGATCCCGTTAAATCCCGAGAAGAATTCGTGGAAGTGTTCAGTTTTGGATGGAAA
GATACCAATTTTGGTTGTATCAACAGAAAAATCTCCATAGAGGTCAAAGGCAGAAATGGAAGCTCTACGAGG
AGCCAAAGGGGTAAAGCAAGTTTGTGGAGTTGCCAAGAGCCCTTCTGCCACAAGAAGAGTATCCACCAGTAGT
TGCCGAGGAGCTCCATCAGTTCTTGAAGGAGAATTTTGAAGCTGCTGATTGAAATATATTTGTACCTTAAAGTT
GTTGAAAGATGTGGGTATAGCTAAAGGATCTTAAGACTTTAAGAATGGGCAAATTTTGTGAATTGGCCTTAA
AATAAGTAATACAATACAAAGACATTCTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTTCAACCCCCCCCCCG
GGGGGGGGGCCGGGCCCCCTTCCCCCTAAAGGGGGTTAAATAACCCCCCCCCGGGGGCCCTTTTTTAACA
CCCGGGGGGGGAAAACCCCGGGGTTCCCAATTTACCCCTGTGGAACACCCCCCTTTCCCCGGGGGG
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1904 AY166797|Citrus unshiu geranylgeranyl diphosphate synthase (Ggps) mRNA,
complete cds

AGGAAAGAGCGTTTTCTTTTTGAGTTTTACACCGCTAAGTGTATGGCTATGCTTCGCCGTCGTCATCAAAAAG
CCTTCAGCGGCGGCGCTCTTTTTGTATCAAACCCAGTTTTTTGTTATTCTCTCTTAACCTTCTTATTCTCT
CCTCTGATTTTTTTCATCTCTGAAGAAACACCATCTTCTCTCTGTTATAAGCTTTTTGGGAGGTGCAGGATGT
TGTTTTATCGTGGACTTTCCCGGATTTTCGAGGATTCCCAGAAACAGCTCCTCTTGTGGTGGTTTCTGTCTCATC
GATCAGATACTCGTCCAGTTCTTATACCTAACTTTCCATCTTTGCATCCTTCGGAATCTGATCTCCAGGCTCTAG
GATGCAGAGAAATCATGTACTTGGCTTCTCCCGTTTTCATGGTTTGGGACATCAAATTCATCATCAAAGCAGC
TCTTTAGTTGAGGAACAGCTTGATCCATTCTCACTAGTTGCAGATGAGCTATCGCTTCTTGCCAATAGACTCCG
GGCAATGGTAGTTGCGGAGGTTCCAAAACCTTGCTTCTGCTGCTGAATATTTCTTCAAATTGGGCGTTGAAGGG
AAGAGATTTTCGTCCAACGGTTTTATTGCTAATGGCAACGGCTTTAAATGTGCCAATTCCTAAACCTCTTCTCAT
TTAGTAGAAGATAATTTGACAATGGATCTACGCACAAGGCAACAATGTGTAGCCGAAATAACAGAAATGATTC
ATGTGGCCAGCCTTCTACATGACGATGTATTGGATGATGCAGACACAAGACGTGGCATTGGTTCATTAAATTT
TGTGATGGGAAATAGATATCAGTTTTAGCTGGAGACTTTTTGCTTCTCGAGCGTGTGTTGCACTTGCCCTCT
GAAGACACTGAGGTGGTATCATTAAATAGCACAAAGTTGTGAACATCTAGTGACTGGTGAACATATGCAA

>trans_s_1905 XM_002321217|Populus trichocarpa multidrug resistance protein ABC transporter
family, mRNA

TATCTTAAAGACATCAGCTGCACTTTCCAGGAAAGAAGAAAGTGGGTGTTGTAGGAAGAACGGGCAGTGG
GAAATCAACCCTCATACAGGCAATTTTATAGGATAGTTGAACCCAGAGGAGGAAGCATTATTATAGACAATGTT
GACGTTTGCAAGATTGGTCTCCATGACCTAAGATCAAGGATTAGCATCATCCCTCAAGATCCGTCAATTGTTGA
AGGGACAGTTAGAGGAAATCTCGACCCCTAGAACAGTACTCTGACCAAGAAATTTGGGAGGCTTTAGATAA
ATGTCAATTGGGAGAATTGGTGCGCGGGAAGGAGATGAAGTTGAATTCTCCAGTGGTTGAAAATGGAGAAA
ATTGGAGTGTTGGCCAACGGCAACTGTTTTGTCTTGGAAGGGCATTGCTCAAGAAATGCAACATTTTAGTGCT
CGACGAAGCCACCGCATCTATCGATTAGGAACGGACAGTATAATACAAAGTATCATAAGACAGGAATTCAA
AAATCAAACAGTGGTTACCGTAGCTCATCGAATCCACACCATTATTGATAGTGATATTGTTCTGGTCCTCAGTG
ATGGAAGGATTGTCGAGTTCGACTCGCCTAAAAAATTACTAGAAAGAGATGATTCCTTCTTCTCCAACTGGT
GAAGGAGTACTCCTTGAGATCCGACCTAAATGGTTCGACAAATCAGGACCATTGATCGATTTGGTTGTACCAA

ACTATGGAGCATTGAGAAATAAGAATCTGGAATGTAGATTGCTTTCAAGTATCAAAGTGTGTATTTAGATTGCT
TTCAAGTATCTCTATCAACAAGAATGCACCTTAAAGTTATAGAATATTGTATCATTAATTCAGTATTTTGAAATA
GATTTTATTTATTTTCGAATGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_1906 Z17331|C.maxima mRNA for lectin (PP2)

GATAAGTTGAATTATCAAAGTAATTAATTAAGGGTGGAAATGGGTTGGAAGAGGAAGCAAAAAAGCTCTTG
GTAAACAACTTGTGTATAACAATTGCTTAGAATCAATTTTAGCCCTCGCAGACGACAAAGCTGCACTCAAGTT
GCCAGTCTTCCTCCTCTTTGCGATCACTAGCTGGTGGCATCTCCCTGTGCGGCGGAAGTATAAAATTCAGAC
TTAATATCGCTACAAACACTAATCGACTGTTTATATTACCAAAAATCCTCACTATTTACCGGGTTAACGATCCCC
GATACTGGACATGGATCCACATCACCGACCATATTACTGCTGTGGATGGCCCTAACTGATTTCAATAACAAA
GCTCGATATACGTGGAAAATTTAGTTCACGATTGCTGACACAAAATACTGTATACGTGTGCGCATTATTGGTAA
TTTTGTATGAGGATAAATCCGGATGGGAGACTCCTGTGAACGTTTCACTCACCACACCAGATGGAAAGACAGT
AACGAACCAAGTAAGCCTTGAGAGGAAGCCGATAGGCATGTTTTTTGAAGTCCCAGTAGGCGAGTTCAGTGC
AATAACAAGGGATGTGAGGATACTGGCCTCGTCCAGTTCGCCGTAACGGAATACTCAAACCATGAAAAACGT
GGACTGCTGATCAAAGGTTGTCTTGTTGAGCAAGTTTTCAAATGGCTGCACGACTCCAAGTGTGCCCTCGTT
GGCATAAAATTCTCTTTTTCAACTCAAACATACATGTTGTATTTGAGGCACCTAGCTATAAGTTTATGTTTTAT
AATTACCCAAATATGAAATGACGAAATACGCAAGAGATGTAATAGCATCAAAGATTATATAAATAATACACA
CACCGTTTTTGCATACTAAGGCTAAACGGTTATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_1907 U90262|Cucurbita pepo calcium-dependent calmodulin-independent protein kinase
CDPK (cpCPK1) mRNA, complete cds

GTTCAAGTCGACGGTGTGGCTCCTGACAAGCCACTTGACTCGGCGGTCTTGTCTCGCTTAAAGCAGTTTTCTGC
CATGAACAAGCTCAAGAAAATGGCGATCAAGGTGATTGCGGAGAGCTTATCTGAAGAAGAAATTGCTGGGCT
TAAAGAAATGTTCAAGATGATAGACACTGACAACAGCGGTCAAATCACTTTTGAAGAACTCAAAGCTGGACTG
AAAAAATTTGGAGCTAATCTTAAGGAGTCTGAAATTTACGACTTAATGCAAGCAGCGGATATAGATAACAATG
GAACCATTGACTACGGTGAGTTCGTAGCTGCCACATTACATCTAAACAAAATAGAGAAGGAAGATCATCTTCT
AGCGGCTTTTTCATATTTGACAAGGATGGAAGTGGGTTCATTACGCACGACGAAGTCAACAAGCCTGTAAA
GAGTTCGGGATAGAGGACCTTCAATTAGAAGAAATGATGCACGAGGTTGATCAAACAATGACGGAACAATC
GACTATAACGAGTTCGTGGCAATGATGCAAAAAGGAAATGTAACCAATGCTGGCAAGAAAGGTCTTCAAAGC
ACTTTCAGCATTGGCTTTAGGGAGGCTCTAAACTTTAGTTTTCTATGTAAAGGTATCAATCAAGTTTAGTTTCT
TTATTGTTCTTGCCTGCAAATTACTGTAGCAAGGAGTTGGGGCTGCTCGCCCGCTCGCTCTCATGCATTCAAAA
CCACGTCATTCATTTGATCGATCTCTTCTTTTTCCCGGTATTCTTGGCCAGAATCAACCTAAACTTAGAGTA
CTATACAGAGAAAAAGGCATATATTTTTTCTCTTTTTTCCCCTTACATTGTTTTGTATCATTATGTAAGACTTT
TGATGAGTAATGAAAATTTGAATTCTGTTCTAAGAGTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_1908 NM_001064250|Oryza sativa Japonica Group Os06g0505100 (Os06g0505100)
mRNA, complete cds

AGTCCTCACTCGGCTTCTCCATCTTCTGTCTCCTTCGTCTCCTTCATCTCCTTTGCTTCTCCGTTT
GCAGTTGCAAAGCACGCCTTCGTCTTCTCCGTCCCTCTAAATCTATATTCGAATTAGCACGGTAGCAGTGTGGT
TCTAGAATGAAGTTCCTCCTTCCGTTTTGACGGTCATCGTAACAGGTTTGTATCATTTTTCTGACTTACTTTCC
TTCTCTTCTTATATGGTTCAAGATGGAAGTCAATGTTTATGGAGTTTGGTCTTGTGATTCTGCTTAAACGATC

TTTGAATACTTTTTTATTTGATTTGATTTTCCTATACATCTACTCATCTAAGCTTGTTGGTATAACTCCAGAGGA
GAAAATTTGTTGTTATATCATCAATGGTAGAGTAGGCATTTTTTGTACTTCTTTTCTTTTGAAGTCAATGAC
AATAAGGAAACGAAAAATTTGAAGATTTTATAACCGAAGCATTGAATAGATTTAGTTTCTCAATTAGGAGGTT
TTCCTCATTTGATTGCACCATTTCTGTAGGGCCGAGCGTCATTGTTTTGTTATTGAAATGATGTTAATTAAT
CTAATTAATTCATTAATTAACCTATAAATTAAGATGCAAAGAAACAAGTAAATTATTAATAATTAAGTTG
TGGTCAGTGAAACATTGAATAGTTAACCGAATCTATAGGAAGTAGCAAAAATGTTAGGAAAAAATGTGAGA
ATATGGAAAAGAAATAGTTCCACCTTTCAAAGAAAATAACCTTAGAATATGGAAAACATTGTCTCTTAGAGCT
GTTAGTATGGTTACTCCATAAGAAAATAACCCACAAACACAGTTAAGATCACACTCTGTCAATGTGCATAATGA
TAGAGCAGCTTCAATGCATACCTGAACCAAAGGAAAAGGGCATACTTCCTTTTTAATTTTTT

>trans_s_1909 NM_001084504|Arabidopsis thaliana ATRBL1 (Arabidopsis thaliana Rhomboid-like
1) (ATRBL1) mRNA, complete cds

AAAATTAAGCCAAATAAACTGTGTCCACCAATCCTTTCAATCCCTTTGATTCTATCGATTCTTCAATCACCCCC
AAATGGGATTATCCCCTTCTGAGTTTGATTACGTACCCTTTGTTTCCAATCGAACTTGTAATGGCGAGGAA
AAAACCCACCGCCGGCATCGAAATCAAGGTTCAATCACGACATGGGGAGCACAAGGTTCAACCGGCGGCTGC
CACATCACGGCCGTCGAGGACTTCTCCGACGAAATTTGGTCATTACCGGCTATTTAAGAATTGGATTCCATGGC
TGTTGCCGATTTTTGTGGTTGCTAATTCCATTATGTTTACAATTTCCATGTATGTTAATGATAGCCCCAAGAACT
CTGCCTCTTGC GTTGAAGGTTTTT GAGTAGGTTCTCATTT CAGCCGCTTAAAGAGAATCCCCTTCTTGGCCCTT
CTTCTTCAACATTAGAAAAGATGGGTGCTCTGGAAGTTGATAAAGTGGTTTATGGGCACCAGCCATGGAGATT
GATCTCTTGTATGGCTACATGCAGGGGTGTTCCATATACTTGCTAACATGTTGAGTCTTATTTTCATTGGGAT
AAGGCTCGAGCAAGAATTTGGCTTTGTTTGAATGCTGTACATTGTATCTGGGTTTGGTGGCAGTTTG
ATGTCGGCCCTGTTTATCCAGTCGGGCATCTCAGTAGGTGCTTCGGGTGCTCTTTTGGTCTCTTAGGAGGCAT
GTTGTCAGAGCTACTTACGAATTGGACGATATATGCAAATAAGCTTGCAACCTGTTGACTCTCCTCTTCTCCT
GTCATTGTTTTATTATCAAAGTGTATATGACAACATTTAATCATGTCTTCATACACCAACTAATCTGTGCCAAGC
TCAGATTATCAAAATAACACAGCTTTTCATTCTCATCTCTGACAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1910 NM_106264|Arabidopsis thaliana maoC-like dehydratase domain-containing protein
(AT1G76150) mRNA, complete cds

ACAACAAAATTTATGGAATAAATTAGCATTTTGTTAATTTAGATTAGATTTCAATACAAAGGTCCGTTTCGTTG
GCATTGTCAGTTTCCCAAATTGGGAGATTTTGATTTGAGCTGTTCACTACAAATTATCCATTGCGCATGGAGG
TCAGCATCACCCATACTCTCTGCCTCTGACTTCGTCTGTTCAAGCACGTCATTGCGCCATCCTTTCCCATCCCTTG
ATCCGATTGATGCCTCTTATCCTCTTCAATCTCTAGATTGACTTTTAGCTTTAGTTTCGATTCGATTGAGGCTG
CTTCTGGTTTATCATGGCGGGTAATCCATCGCCCTTTGATCCTGCTCGTATTCTTGCTCACAAATCCCCGAGA
CAACGACCACCTATACTGAGAGAGATGTCGCACTCTATGCCCTGGGTGTTGGAGCATGTGGTCAGCAAGCTGT
GGACGCTGATGAGCTGAAATATGTTTACAATGAAAATGGGCAAGAATACATCGAGGTTCTGCCAACATTTTCT
GCTTTATTTATCCTTGACACTCTGAGCACCGGTCTGAACTTGCTGGACTGTCGTATGACCCAAAGCTCTTACTC
CATGGTCAGCAATACATTGAATTATACAAGCCACTGTCATCTAGTGATATTTAGATAATAAAGTCTCTTTCG
TGGGTTGCATGACAAAGGAAAAGCAGCTATTCTTGAGGTTGCGACAAAAAGTTATGACAAAAAATCTGGACA
ACTATTATGCATGAATCGGACAACTCTTTTTGCGAGGTGCTGGTGGGTTCTCAAGTTCTTCAACCTTTCTC
CTACACAAACTACCCGAAAGATCAAGGATCAGCAGGGAAAATTCCAAAAACACAGCCTTTTACTGTGTATGAG
GATTGTA CTGACCATCTCAGGCATTATTGTATAGGTTATCAGGTGACTATAATCCTCTTCATTCTGAT

>trans_s_1911 GU133633|Vitis vinifera suppressor of overexpression of CO 1 (SOC1) mRNA,
complete cds

>trans_s_1912 NM_115527|Arabidopsis thaliana nucleic acid binding (AT3G56680) mRNA, complete cds

>trans_s_1913 NM_120363|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein (AT5G02850) mRNA, complete cds

CGGTGGTGTGGCTACGGTTC AATGGCTAAATCGATGTCGGTAACTGTTTTCCTTTGAGATTTTTCAGTGCGTAT
TTCATAGTTTTGAAGGTTTATAATTGATTGGGGGGTTTTTGTTCATTATAACTCTGTATGATTACACTAGATA
TCTTGGTGTCTTACTCTCTAGATTGAATTCTGTTTTGGGCATATTAGAGTTTAGTTGTTTGCTCTCTATTTGTGT
ATGAACCCTAATACAATTCGTTGAAGTACACAAAAATATGCTTCAGCATCAAATTGTTCAATCCCCAGCTAGAT
TGGGGTTGACAAATCCCAATTCTCCCTCTATTCAAACCCCTACTCCACCTAAATTGCCCCCTTCTCAACAATCCC
ATCACCAAATCAATCCAATGTCTCTTCTCCACCCCTTCCTCCACTCTCCTTCCCCTACTTCTCCTCTTCTCCTCGA
GCTCAAGCACTTCTCCTTCAAATGGCTTCATTAGCTTCCAAGCTCTTTGAAGTCTCCCCAATCGCTCCCTTTGG
CTCACTGCATTCGAGGGTCTCTTCCCACTTTTCTTACTTCTCAAACCCAGTCCTCACCCCTCTACCTTTCTTGATTC
TACTCCGTCCTCTTCGAAAGAAATTTTGTGCTCTTTAATGTCCTGCAGACCCAGTTGTTTGAAGCTGTTGCCGA
GCTTCAGGAGATTCTTGATCTTCAAGACTCTAAGCAGAAGATTGCTTATGAGATACGAGCTAAAGATGCTGCT
CTTCGTGCTTTTGCTAATAAGCTTAAGGATGCTGAGCAGGTA CTTGATGTTTTGTTTGATGATTATGCGGACTA

TCAGCGTCCTCGACGGGTAAAGACAGAGGGTGGTGTCTGAAAATGAATCTTTGTGTTTCGACCACAGTTGCATCC
CAGTTGAGATTATCTGATATATTGTCGTATGCTCATAGGATAAGCTATACTACTTTTACA

>trans_s_1914 NM_100786|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related
(AT1G09160) mRNA, complete cds

TCTCTCTTCATCTCTCTCCCAATCAAATCACTCAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACTGTGGGTTTCTCTCTTT
CACTTCATCTCTCTCTAGAACTCTCGCTGGGAATTTTCCCCGCCATTCGATCCACCTTGTTACCATTAGATAATT
TCAAGGAAAAAAAAATTAAGCTTTTGTGAAATGGGGTTTCAGAACTCTCCTCTGTCCGATCCCCTTCTCTCGATCT
GTTACTGACACTAAATGTACCACCTGAATTTGGGCTGTGCTTTTGAAATGTGCAACATAGGATGAAATGAG
TCAGACAGAAGTATCAAGGATAAAGACCCCTCTCGTTCGCTCGTACTTTGATCGGTTCGCGAGTTGAGGAAC
GAGAAGGTTGAGAAACATTTGTGAAGTATGGACAGGCTGCTTTGGCTAAGAGAGGAGAGGACTACTTTCTG
ATCAAACCTGACTGCCAGCGTATTCCTGGGAACCTTCCACTGCATTTTCTGTCTTTGCGATTTTGTATGGACAT
AATGGCATTTTCAGCCGCTATTTTTGCGAAGAAACATTTATTGGAATGTCTAAGTGAATTCCTCAAGGGGT
CAATAGAGAAAAATGGCTTCAGGCTCTTCCCCGAGCACTAGTTGCTGGTTTTGTTAAACTGACATAGAGTTTC
AGCAGAAAGGGGAACTTCTGGGACTACTGTACATTTGTTGTGATTGACGGGTGGACTGTTACTGTTGCTTC
TGTGGGAGATTACGGTGCATATTAGACACCCAAGGGAGGTGTGGTTTCTCTATTGACAGTTGATCATAGGCT
GGAGGAAAATGAGGAAGAGAGGGAACGTGTAAGTGAAGTGGTGGTGGAGGTTGGGAGGCTCAATGTTTTTG
GCGGGAATGAGGTTGGTCTCTACGTTGCTGGCCTGGAGGTTTATGCCTTCTAGGTCCATTGGTGATACGGA
T

>trans_s_1915 AL161576|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 72

AGAATTTGAAGTTCAGTTCTCAACGATTGGGGAGGTAGAAGAGAACCCAGGCTGTTTAGAAATTGAGAGAAG
CCAAAGTCATGCAACTAACTGTAGCGACCTTTCTAATCCTTCTTCAGTTGAAGACGAACTACTGACATTCTCC
CTATGGTGATCAGACCAATAACCTAGAAAAAACTCCCCTGCCTATTTAAAGGGCATCGAAATACTTTCCTCAG
CTATATTATCCACTGATGCTTTAACCTCAGTGACAATGGTGAAGAAGGAACGCCTGCAGGAACAGTTTCTGTT
CTGAATGAAGCAACTGCTGCAGGATTGGTTGGTTTGATTCCCAACTCTGCTGGATCTAAGCTCGAGAACAGGC
ATGGACCAGCTGCCCCAAAACCTCAACATCGATAATCAGTTAAGCACCTTGTTCCGGTCTGGAATGGAGGGCCA
ACAGTTTGTGGCTGTTCTGAAGATGGTTTGCCTATTACTCCCTGCAAGCTTGAAGTGCTAAAGGATAGTCTTG
GTAGGGGTGAAAGACCGAAATCCAGCTGCAAGGACCAGGAAAACAGAACTCGAAAAGTAGGGGAGCCCCAT
GATGGTGGTACGTCAAAGATGAGAACCGGGGAAAGACAGGATGACAAATGTGCTGAAAACGGTGTTTCAGA
TCGGGAATTCGAGCATTATGTGAAGGTAATTAGATGGTTGGAGTGCAAGGGTTATATCGAAAAGAATTTAG
ACAGAAATTTCTCACTTGGTACAGCTTGAGAGCATCTCAAACAGAAAGTTAAGAATGTGAAGGGTGTGTTGAT
ACCTTTATTTGAGATCCAGCATCTCTTGAGAACAACTTGAGATACATTTTCTGAATGCATTTCAAGCAAAAA
ACCGACTACCCCGCCCGGTTCTGCATGAAGCTGTGGCACTGATTTACCCACTCTTGCATCTGCTATGAAGTGG
TAATCCAA

>trans_s_1916 XM_002885218|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata single-strand-binding family
protein, mRNA

AATTACGAAGACGATGACCTCCACGGTAGCACTGTCAAGAAGGCTTTGCCGCTCTCTCCTATCGAATTCAAAA
GCTTCTCATCATCACGACATCTCCCCGTAACTATTGTACTAATAACCTTTCCTCCGCTCGGTATCAGATATCA
CTGAGTCCGGTATTGAATCGGACTTGTACTCGGAGTTGGACTCAAATTCGGTAACTAATCAACCTTCTTTCTCA
CCGTCCTCGTCCCAATCACCCACCAATCGAGAAAGGTCTATGATCGACCTCTTGAAAATGGCCTCGATGCTGG
CATTTTTAAGGCTATATTGGTGGGTAAAGTGGGGCAAAGTCCATTGCAGAAACAGCTGAAGAGTGGAAGAAC
AGTGACGCTGTTATCAGTTGGGACAGGGGGTATTCGTAATAATCGGAGGCCCTTGGCTAACGAGGAACCCAG

AGAGTATGCAAATCGGTGCGCAGTTCAATGGCATCGGGTTTCGATTATCCTCAGAGACTGGGCAATATCGTC
ATGAAGCATGCTGTGCCTGGTTCAATTATGTATTTGGAAGGAACTTGGAGACCAAATCTTCACCGATCAAG
TCACTGGTCTTGTTGACGTATTAGAGAAGTTGCGATTCTGGCAATGGACGGCTTGATTTTTGGGGAAGGA
AGAAGGTAATGCTCAGGAGTCCACCTCATCAGAACTCAGAGGTGTTGGCTATTACTAAGAGATGTTTGCAGTT
TTGTCATCTGAAGATTTGAATCGCCCACTTTTCGATGTAAATGCTGTTATTTCACTTCACAGAGTTGCAATAAGG
CATTCTGAAATCTATTGCATGGCCTAGCGATGATTCACTTCCCCCACCCTCTGTCAAGCGACAAATGTCTTTGA
TATTTATACGATTTAAATGAATTCGATTGAGAGAGAATTTAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_1917 NM_001061644|Oryza sativa Japonica Group Os05g0295100 (Os05g0295100)
mRNA, complete cds

GTTTCCACTCAAACCCAGATATAAATGGATTCTTCAATCGCTACTGCAACAACCTCGAAGGAAAGGTGAAGTT
GTTATGTGAATACAAAGGCATTCTTCCAAAAGTTGTGCTCCAAGTCCGTCAGGTTTACGAGAGATTTAATTCAG
ACTCTTTAGCTGATGTTGATGATGCTCGTCTTGAGTACTTTTCCAAGAAGGTGTTTCCAAAGATAAATGAGTCT
AGTCAGGGTGGAGTCATGCTATTCATTAGTTCTTACTTTGAGTTTGTCCGAGTTCGAAACTTTTTGAAGGCACA
GAACGCTTCATTCTGTCTCCTTGGGGAGTATACAAAGCAAAGTGATATCTCACGAGCACGAAATTGGTTTTTTG
AGGGGAAGCGGAAGATCATGTTAAACACAGAGAGAGCTATTTTTATCACAGATATAAGATCCGTGGCATAAC
AAAACCTTAATAATGTATTCCCCTCCTGAGAGGAAAGAGTTTTACCCTGAGATTGTAAATATGCTTGATGAATCC
CAGAATATGACGTGTAGAGTTCTATTTTCTCTTTTGATCAGCTCCGGCTGGAGAGAATAGTTGGAAGTGTGCC
AGCAAAAAAGATGACAACATCAGAGAAAAAGGTTTTCATATTTTGCTAAACTCCATTTTAGCTGTCGTCAAGC
TTGCTGAAGGACAGGAACAACCATGTGATGATCTCGATGCAAAAGTAAAGATGCTTTGTTCTCAACTTCAGA
ATCTATTTACGGTGAAGAGTCAGTTTTGATTATGCTTCGGCCCTCCATTTTTGCTTTAAGTTAGTGATTTTTTT
CGCCATATTGATCTTTGGTATTTAATCTGATTGTTATTTATATGTAGTATATGTGTTCAAGATTTTCTTTATGTT
GACATTGAGGAAGAACTAATGTAATGGGTCCAATCTTCAACAACGTTATGATTCCATTAAGTGAATC

>trans_s_1918 Novel Gene

ATGTACCATTAGAGCAACGAAGTCCTATTTTAATGTTAAGTTCCATTTTGCCTAGACTGCTCACTATCACTGTG
ACTTAAAACGATGGGATGTTCCCACTCTCATATGTTTTCTAGTTCATGATCCACTATTTTTGTACATTCCTG
AAGTTGATAATCACTAAGACCATTAGGCCATTTATCGGTTGCAGTTGATGGCGTAATTCCTGCACAGATCTTGC
TCCATGTTAAATTAGGATGTCTGCTATTTTGCCTAGACTATTGGGATATTCCAGTGCTTTGAACAGACTAATT
GTGCTCTATACCACATTCTTTTCTGTTCTGGTATCTTAGCTCTTCATTCAATTATTTTCCCGTACCAATCCAACATA
AATATAAACTTCGGCAGCGGGAACCTTGCCAAAATTGTCTAATTACAATGATATCGTTTGCCAACTGCTTCCCT
TTGATGTTAGTGTTAGTCTTCTTTTACAAGTCAATTAGTAGCCTCACAAGTATAGATGACCTCGTAGCAGTCAA
CTAGTAGCCTCACAAGTATAGTTGGCCTGGTAACGGTCAACTAGTAGCCTCACAAGTGTAAGTGGCCTTTGTTA
CAATTATCTTTTAGCCTTCTACTGGACGGAATTATCCGTAGCATGATGGCTTATAGTGGCATGTGTGGGCTAGG
TATGCGTTTTGGTTTTATTATCAAACCTCTTTTATGTATACCAAGGTTGGCTCTACTCTTATTGTGCTTTCTAA
TGTTAAGGAAATAGGAAGTTCTGTGAAATAGGATGACATTGGATGAAAGTGACGTTAGGACGTAGAATTAGA
AAAACCTTATGTAGCAAAATATAGTCATGAATAACCTTAAGGCAGTTAGATCCGTAGCGAACACTTGGTTTTGA
TCTCATCATCAAAGAATATTTGTTGTGGGGTTTTCTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1919 NM_125239|Arabidopsis thaliana glutaredoxin family protein (AT5G58530) mRNA,
complete cds

AATTACGACCTCTCATAAAAAGCAAAACCGCCTTTCTTTTCAAACCGCTACAATACCCTTCACCTTCAATCTTC
AACCTTTCTTTCCCTTTTAACTTATTTTTCTCTCTCTTTAGCCTAAAAACTGAAAAAGCTTCATTCCCCTG

CAAAATTAACCCCTTTCCCCCTTTTTCTTCACACATTGAATCATCCAAGTCTTCGCTTCAAGCAATTGAGAACTT
TTTTTTTTTTCTTTTGTGGAATTTGAGCCGACGTGAGGTATAATTTGTTCTTTTCTTTTGTGTTGTTCTTTTTTT
GTTGATGTTGTTTACGATTCCCGGCGAGGAATCCGGCCTCGATGTGGCGGCCGGGGAGCAAATCGAGGGCA
CAGATTCTGATAAGTCTTCACAATCGTCTCCATTCTCTTGTCTACATACAAAGACGTTCAAAAACTTTTCGT
GACGAAACCCCTCTAAACCTACTTCGAAAAAGCTTCAATCGTTTTCCATCATGTTGATTGTTAATTCATTA
CTTAGGGCGTGGTCAAATCTCCCGTCCGATAGACAATCGCAGCTTCCATTTCAACCTGAGTCTGAACCGGTCCT
CAAATTTCTAGACCCTAAATCGACTAAATCGCCGCAGGTTCCGACGCGATCTGAGTCCGGCCCTGTTTCGGATA
AACGAATCGTGGTTTACTTCACTAGCTTACGTGTTGTGAGGTCTACGTTTGAGGATTGTAAGACCGTCCGTTCA
ATACTTCGAGGGTTTCGTGTTTCGATTGATGAACGAGATCTGTCGATGGATTGAGGATTGTGGCGGAATTAC
AGCAGATACTTGGTAAAAAGGAGTTGCCCTTACCGACGTTTTTCATCGGCGGGGAGTACATCGGTGGAGCAG
AGGAAATCAGGCAGTTGCACGAGATTGGTGAGCTGAAGAAGCTGATCGAAGGCTTGCCAACGGC

>trans_s_1920 Novel Gene

TAATCTACTTTAGTTTTACTGCTGCAGATCAGAAGTCTCATCATGCACATGATTATGAAAATGTCAAGTTAATAT
GCCAGGAATGTCTGATGCAATACTAGCTTATGTTATGACACCCATTACATTTGATACCAATATTCCTCTCAAAC
TAGAGTACAATATTTACTTTTTGGTTCAACTGCACGGCCAGATGGGCTCGACCGAATTTGGTGTTGATCTAACT
TTGGTTTAATTACGAGTTGATACAAAAGCTTAAGTTAATGGGTGGAGATAAATGTTAGCATTTCTGTCAATTGT
GGATTTGAAATATGCGGAGGACCAGACAAGTAGAAATCAATGTCAATTTGGGACGAAATGACATTGTAGGGC
TTTGAAAAACATAGGACATTGTAGATTACTTGCTTTGATACTACGTTAAATCACTTATTAACCCAGAAACATAA
ACTAACGAGTGAAGAAAAATTTAATATTATATCATGTAATAGCTTTGAATGAATCTTTAGATAGGATGGGGAG
TGGAGGAATGTTCACTGTAGTTTATATGTTCTGCTGTCCTATTGCACCATTGTTCAATTGGTTGAACTTTACT
ATATAAACTTATATTCTATTGTTAACTAAATCTTCTTTTTGGGTTGCACAGAGGAACGTGTTTCATAGGAAATT
CATGGGATAAAACATTTGTTGAAAGAATATTTTATGGGTGTCAGTTGATGGTTCAGCCTTCGTATTGTTGCTT
TGAGAACAGTTTGATGCTTAAAAGTTCAAAGAATCCTTCAACTTCGGGGAGGTATTCTATTGTACTACTAT
GCCAATTTAATATCGTGGTATCTTATTTATGGTTTTGAAAAGGGTAAAAAAAAAAAAAGAAGAAACAAAAGAA
AAATAATGTGTATTCATGTAAGGATTGTTATGCCTTTTTAAGAGTAGGGAAAAAGCAGGTGCCTTGAATC

>trans_s_1921 NM_114778|Arabidopsis thaliana condensation domain-containing protein
(AT3G49190) mRNA, complete cds

TTACCCATTTTGCCATTTTCATGGAACGTCCATTTCTGCTTCATCTCTCTCTCTCTCCACTCTTTCATTTTCCTTA
TTCCACCTAATCTCATCATTCCTTCAATACCCTTTTCCCTTCTTCATGAATCCGACGAGCCACTCACTCCCGCT
GGCCGCCTCTTCTCCGTCTGAAATCAACCAGATTATCCACTGCCTCGTTGGAGTACAGAACTCCATCGATGT
CGATTCCGTCAAATCTCAAATCGCTGATTCCATCATGATTGAGCACCTAGGTTTTGAGTCTCCTCGTTCGTGA
CCGTAACGGCGTTGAGTATTGGCGGAGGACTTCAATAGAAGTCGACCGTCACGTCATCGTCGTTCCGATCGT
GTATCGGACGACGTAGGAGTAAACGATGAGAAGGCTGCGAATGAATATTTAGCTGATTTAGCGATTTCTTCGT
CCATGGATTACAGTAAACCTCTTTGGGAGATTCATTTGCTTTTGGCGCATAACTGTGCCGTCTTCCGAATCCAT
CACGCGCTCGGTGATGGAATCTCGTTGATGTCGTTGTTCTTGACGTGTTGCCGTGCGGCTGATGATCCGGATG
CCTTGCCTACCATCGTTTCGGACTTGAAGGCGGTGAGGAGTACTAGAAACAGAGGGCGGAGGAGTTTGGGG
GAGATGATGTTGGAGTTTCTGTTAGCGGTGTGGTTAGTTTGTTGTTGTGTTGGAGTTTATAGGTAGAGCTTT
GTGGGTTTGTGACCGGAAAACGCCGATATCCGGTGGGGAAGGGGTGGAACTTTGGCCGAGGAAAGTGCGCA
CGGCTAAGTTCGCGTTGGAGGATATGAAAGCGGTCAAGAAAGGCGTTCATAACGCGACGATAAACGACGTTT
TATTCAGCGTAATAGGGGCAGGGTTATCGAGGTAATTGGAGCATANGCAACCCAGGGTTTGAAAGAAAGACT
TC

>trans_s_1922 NM_001063546|Oryza sativa Japonica Group Os06g0186600 (Os06g0186600)
mRNA, complete cds

ATCCCTGAAAATAGAACAACAAGACTCTACTTGTACCACTGTAGAACATCACTCTCAAGAAGCACCATCACCTT
GTTTCAGCCGAAGCAAGTGCAAATTTTGAAGTTGGTAGCTCTAGAAGCCCAAGAAATTGGGAACAAATGAAAG
TGCCCGGGCTCCACCCGTCCATGTCAATGAGTGATCTTGTGAACCACATTGGGCACTGCATTTTCAGAGCAGAT
CACAGCGGCAAATCCGTCAATTTGCCAATCAAGGACCAGAATACCAAGACATACTAGAAGACATTACACAATAT
CCGCTGAACGACAACCAATCCACAATTCTGATGAGAAATCTCTCATGAAAAGGGTCAATTCTCTCTGTTGCCT
CTTGCAAAAAGATCCAACTAATCCCACAACCTCAGAACTCACTGTTCAATGATGAAAGTCGAGGCGAAGGACCC
GACGGTAGGAAGAACGATAAAGTTGGTAACATATTAAGGGGAGATATCAAAGCTTTTGGCGAGGACGTAA
AGATAACTCCGGCACTAAGCAGGCAGTCGGTATGTCTAGGAAGGATTCTGTTTGGTGAATTGCTTTTGCATCTT
CCTCGAATCGCTTCTATCCCGAAGTTTTTGTTCATATCTCAGAAGAAGATAGTGAAAGTTGAAGTTAAAAGTA
AAAGTTAACGTCTCTGGCTGAAATGTTTCTTCTGAACATTGCTTCACAAATCGGCATCCGAGACGATTTACAAG
CAGATGAATAAATCTGCATGGGATTCTGAAATATATATTGATGACTAATCCTGTATGTGTAATTTTCATGTATTT
AGGCAATTCATGTATGTCTACACCCGTTTCAATTCTTTCCCATGAAATGTTATGAAACCTACTTGCATAAGTTGT
AAATGGAATATCCCTTGATGAATCAATCCATTTTAGAGGTTAAAAAACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_1923 AF522274|Gossypium hirsutum cp10-like protein (CLP) mRNA, complete cds

TTTTCCACCAAACCAAAAACCATTAAAAAACACATGAGTTTTTACATGACCATTAAACCAATCAGTCTAAATTTAA
GTTTTTACAATAAGATAGCACTGCAATCAAGTCTGAAGCCCTCAAAGCAATGTAATCAGATCCATCTTTGCC
TTGAATTCGTTCCCTGCATACTTCGAGTACATCACGTTGTTTCCCACTGCAACGGTTAGCGGTTTCCTGTTGCCT
TCTTCGTCCAGATGACCCGGACCAACTGCGATCACCGTTCCGATGGACGGCTTCTCTTTTGTTCCTCTGTAA
CAATAAACCTCCAGCTGTTTTTCTCAGCCTCAGCTACCTTGATCAAAACCTGTCGTTTAGGGGCTGAAGAT
CTTAGCGTCGTCTGTTTCTAGTATACCAACTATATCATCTTCCTTCAGGATAAGATGCTTTGAACCATTGAACT
CTAATTCAGTTCCAGCATACTTAGAGTACACTACTTGAGCACCAGTCTTTACACTAGCTTCTACTTTAGTATTTT
CAATTGTCTTGCCTTCACCAACCGCAACTACCTCCCCTCCTTGGGGTTTTGTCTGAGCTGTTGTGCGAAGTAAA
ATCCCTCCATCAGTCTTCTCTTCAGCTTCCTTTATCTTCACCAACACTCTATCGCCCAATGGCTTGATTGAAGTGT
ACTTTGGAGCAACCACAGTAGCAGCTCTAACAACCAAGCCAGTGAAAGATCTGTTAGCCAAACCCCCAACTCG
AACATGGTTAGCAGAAGGAGAGAATTTACAGAAGAAGGACGAAGGCCACTGAAAGAAGGCAGCAAATTC
TCGAGGAAATTAAGACCCAGTAAATTGAGCTGCCGCCATAGGAGGTTCTGAAGATAAGAAATGGAGAAGC
GGCACTAATGGTGTAGAAAGAAGATTGTAGAATGAGGAAGAAGATAAACCCCTAGCAAGTTGAAAAGAGCA

>trans_s_1924 NM_001084826|Arabidopsis thaliana OVA1 (OVULE ABORTION 1); ATP binding /
aminoacyl-tRNA ligase/ methionine-tRNA ligase/ nucleotide binding (OVA1) mRNA, complete cds

AAGTGAACACTGTGATATAATCTCAGAGGCATACAAGACACTTTGGAAAGATGTAGTCCAAACACATCCCAGG
ATTTTCTTCTAGATGTAGCTTACGATAAGTTCATTTCGGACAACCTGATCCTAAACATGAGGCTATTGTAAAGGAA
TTTTATTCAAAGTTCTTGCCAACGGAGATATTTATAGAGCTGATTATGAGGGACTCTATTGTGTCAATTGTGA
AGAATAACAAGGATGAGAAGGAACCTTCTTGCTGACAATTGTTGTCCTATACATCTAAAACCTGTGCTTCAAGG
AAAGAAGACAATTACTTTTTTGCATTATCGAAATATCAAAGATTGCTTGAAGAACTTTAACACAGAATCCAGG
TTTTGTACAACCTGCCTTCCGTCTGAATGAGCATCATATCTTCCAAGGTGCAAAGCTGGATTGCAAGTGGCCTA
AAAGACTTCTCTATCTCCAGGGCATCGGTAGAATGGGGCATTCCAGTTCCTAACGATAAAAAACAAACAATT
TATGTTTGGTTTGATGCATTATTAGGTTATATATCAGCACTTTCAGAAAATGGTGAGCAACCAAATTTACATAA
AGTTGTTGCTTCTGGGTGGCCTGCCTCTTACACTTGATTGGGAAGGATATTTACGTTTTACGCAGTTTATTG
GCCTGCTATGCTAATGTCTGCTGACTAAAACCTCCAAAGATGGCTTTTGGTCATGGGTTCTTGACAAAGGAT

GGCATGAAGATGGGCAAGTCATTAGGCAATACTCTCGAACCAATGAACTGGTTGAGAAGTTTGGCTCTGAT
GCCGTTAGATATTTCTTTCTTCGAGAGGTGGAATTTGGTAGCGATGGGGACTATGCCGAGGATCGCTTCATCA
ATATCGTAAACGCTCATCTTGCAAATACAATAGGAAATCTGCTAAACCGAACTCTGGACTCCTTAAAGAACT
G

>trans_s_1925 XM_002870641|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PQ-loop repeat family protein,
mRNA

TAATTCCGCCGGTCAAACCTCCCTCCTTCCGCCGGCAATTCTCGGCGTTCGTCGTCTTTCTCTGCTTCTCAGTCTT
GATTTCAAGAATCAAATTTTAGGTTCCGACGGCAATTTCTCTTTCTGTTTTTCATCTGCCTTCGCCGGAAATA
AATAAGTTAACGAAGAGAAATGGCGTCTTGGAATTCGATTCCGCTCGAGATCATCTACCAAGTTCTCGGATGG
TTCGCCTTTGTTTCCTGGTCCATCAGTTTCTATCCTCAAGTCATCTTAAATTTCCGTAGGAAAAGTGTCGTGGGA
CTGAACTTCGATTTTGTGCTGTTGAATTTGACGAAGCACTCGACGATTTGATATATAACGCCTCGCTTTACTTC
AGCTCGGCTGTTGAGAAACAGTACTTTGAGAAATATGGTTACGATCAGATGATACCTGTTGCTGCAAATGACG
TTGCTTTCTCAATACATGCTGTTCTGTTGACGGCAATCACCTTATTCCAAATTGTGATCTATGATCGCGGAACTC
AGATCGTTTCCAAAATATCTCTGACAATTGTGATTGCTGTATGGATATTTGCCGCAATTTGTTTCTTCATTGGTC
TGTCTAGCCATTCTGGCTCTGGCTAATTTCCATATTCACTCAATTCAAGTATTTATGACGGCTATTAAATACA
TACCTCAGGCAATCATGAACTTTTTGCGGAAGAGCACTGATGGATTGAGCATTGGCAACATACTGCTCGACTTT
CTGGGAGGCTTGGCAAATTATGCACAGATGGTAGTGCAGTCCATTGATCAAAATTTCTGGGGTAACTTTTATG
GCAATATTGGGAAGACATTGCTCTCTTTGATAAGTATAATTCTTTGATCTTCTTTTCATGCTTTCACATTATGTAC
TATATCCCGGCAAGAGGCCAACCGTGTCTCAGAAAGCCGATGACGAGAGCAGAGAGGCCACTT

>trans_s_1926 AY090294|Arabidopsis thaliana At2g04039/At2g04039 mRNA, complete cds

ATTGGATTAGTATGTGGATCACAAAACCTCTGTTAACACATTACAATGAGAAGCTATTCCATTGCGCATTGTTGT
CAGCTTCCTTACAACAACGATTCACCTCTAATCTTCACTACCTATCATAATTCTCTACCCTAAATTTCCCATCTCCT
CCATTGAGTTTCAGATGGCAATGATTCTCAAAGGAGGACGCGGACTTGGAGTTTCAACTGCCACTTACTTCCCT
GCCCCAATCCTAAACCTTCTCCACTTTTCTCCCTTCACATGATGGTACATAAGCTTGAGCTGAACGCAAAGTC
ATATGCTGCTCTACCTTGAGGAATCATCTACTCCTACAGTTGCTGCCGAACCAAAGGAGATAAAGACAGTTCC
AAAGGAAGCTCCAGCAAAGGCCAAACCGCCAGCAAAAGCCGAGTGAAGCCACTGCCTGAGTTGATGGAGG
AAGAAGTCATACCTTCATTGAAAGCAATTCTGAAGCACAAGCCGATGTCTACGATATTGAATTATCATTCCAA
GACGACAGATTGGATGGTTCGTTCTTGAAAGATGGAGTTCCTTACTCATTTTGGGCTTTCTTCCCTAATGGCCT
CACAGGTCCAAAAGGGTTTTCACTATCTTCATATGGCAATGGAGGAAGCTCTGTTGAGCCCTTTTTGGTCGAC
GAGAAGAAAGTTTCAGCAAAGCTTATAGTTTTCTGGATTGAGAAGCGTTTGGCTGCACAAGGAATTATTCCAG
TCTGGAAAGACTAATCAACAAAATTATTCTTTTTTTCTTTCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTT
TGGGGCTTCTTTGCAAATGATGTATAGCATAATTCTCCATTCTATTGCAATTTGCTCCTTCAACAATGTTAGCTC
ATCCTATGGAATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1927 BT030103|Arabidopsis thaliana At1g73470 gene, complete cds

AATTCTCAAATTAACATAATTGATTTACTTTAATAGATCTCATTTTAGGTTGAATACTTATTGCCGGAGACGA
GCATTGTGAGTTGAGTTGAACAGTGACACTAATACTATCGTAGCACTGCCACTGCGGCCAAGTGTTGTTCTTCC
ATGACGACTACTCTGGCTGCGCTCAATTCGCCTTCCTTTCTCCTGCCGTTTCCAAAAAATTGCATATCCCCAG
TTTTTCAGCTCTTCTGGGCGTAGAACTGGCGTACAATTTGTGGGTTGTGTCAATGCTTCCAACCAAGAAATGC
TCAAGGTGGCTTTGACCCGGAATTGCGTTCTGTGCTTGAGCTGGCCACAAATTCTGAATTGTATGAGCTTGAG
CACATCCTTTTCGGTCCCAGTTACTTCAGCCCATTGATGAAATCGATTACGAACAGAGGCCAGACGGACTATGC
CATGATTGAGGAAGACCTTGAAGAGAGAGATGGGTTTATTTCAACGCTCGAGTCTCGATTCTTGTTCTAGCA

GCTGATGCTCGGTCGACGTTAAGGGGTTGGAGACCATCTTATAGAGATGTCTTGCTTACAGTGAGAAAAAG
TTAAACGTTCTTCTGCTCAACCAAATTGTCATCTGAAGACCTTGAAGCAGAAATCTTTCTTCATTTGTTGCAGGAA
TATGCAAGTGAAGAATCAGTAAGGGAGGCTAACCTTGAAGGTAGTCTACAACCTGGACTTGATCTGTGGAAG
GTACAACTTTAGCAGCTACAGATGGAGCATCTGACCTGCAATCCTTGATACTAAAGGGTGGTAGTTTGATAA
CTGTGGTTAAATGTTTCAAGTGTGTTGCTAGGACCTTATCTGGGAAGGTGTTCCGAGAAGCAGCCAATTATCA
AATAAAAAAGGAAATCATCAAAAAGGGTGGACAGTTAGCTGCAGCAAATCTCGAGTCAAGAGTGGCCTTGCT
CG

>trans_s_1928 NM_001065266|Oryza sativa Japonica Group Os07g0110300 (Os07g0110300)
mRNA, complete cds

AACCTCGCGCCGCCACGCCAACCCCATCAAATGCTTTTTCTTCTTTTGTGCTTCTTTTTGTTTTCCCATTC
ACCGAGGGTTAAGTTCTTGATTGGCTTGGCCACTCTAACTTGAACCCGACTTATATTGGACGCAAAATTTGA
TTCTTACCTTGCAGGAGCCCTGAAGCGCACCTCCGTCTCTCTCGAAAGCGAGACCTTCTTCAATCGATTGAAA
GCCATCGACAGTCTCTGTTTCAGCTTCCAGCTGACGTTTCGGAGATACCCAACAAACCTGTTTCTTTCTCTG
CCATTCGTGATTGCGAGGAATTATTATGTCGCTTTTTAACTTTCAAGAAATGGTGTTCGGATGTTAAAAGAGC
TCTTCATAGGGAATTCATTACTAGTGACTAAAGCAAGTCACGTTTCGAGGCCCTTTTTCAAATACTTGCGTACTC
TGCCACAGCCACAGCCACAAGTTCAGGTGCTTCAAGGTTTCAAATGGCAGGAACAGCGACTGTATTCTACCTC
AGGTCCCCAGAATGGCTGTAATGAAGAGAATGAACCAAAAGAAACGATATCTGTCACGTTTGTCTTAAGGAT
GGAGAAGAGCAACAAATTGAAGTTCCTGTTGGAATGTCCATGTTAGAAGCTGCTCATCAAAACGATATAGAA
CTTGAAGGAGCATGCGAAGGTTCACTAGCTTGTTCAACTTGTGTCATGTTATAGTGATGGATATGGACTACTACA
ATAAAATAGAAGAACCAGTTGACGAGGAGAAAGAAAAGGTGGATCTGGCATTGGGGCTTACAGAAACGTCTC
GTTTGGGATGTCAAGTTATTGCAAAGCCCGAACTTGATGGAATTCGTTAGCCATTCCTGCAGCTACCAGAAATT
TTTGCTGTGATGGCTTTACTCCAAAGCACACTAAGCATTTTGCCATAATCAGAGGAAGATCAAAACAAAAG

>trans_s_1929 AY103872|Zea mays PCO139073 mRNA sequence

AAGGCCCAGAGTGAAAGCAAGGGCCCGTCGACGAAGCCTTCTTCGGCAACAAGAAATCCCCGCTTTTTATCAC
CACACCAGAGCTTTGCTTTTCTCCGGCATTCTCAACAAAACCTCCCATTTACAACCTCTTCTCCATTCACCACT
TCCTCTTTGCAACTCACCATGGGAGACAGCCAGTATTCTTTTTCTCTACCACTTTCAGTCCTTCGGGCAAGCTT
GTGCAGATCGAGCACGCCTTGACTGCTGTTGGATCTGGTCAGACATCTCTCGGTATCAAAGCTGCCAATGGTG
TAGTCATTGCGACTGAAAAGAAATTACCTTCTATCTTGGTCGATGAAACATCTGTTCAAAGATACAATCTCTT
ACACCAAATATTGGAGTTGTTTACAGTGGCATGGGTCCTGATTTTAGAGTTCTGGTCAGAAAAAGTAGGAAGC
AGGCAGAACAAATACCATAGACTGTACAAGGAACCGATTCCGGTCACCCAACCTGTGAGGGAAACAGCAGCTG
TAATGCAGGAGTTCACCCAATCTGGTGGTGTAAAGGCCCTTGGAGTATCTCTGCTTGTGCTGGGTTTGATGA
CAATGGTCCTCAATTGTATCAGGTGGATCCATCTGGCTCATATTTCTTGGAAAGCCTCTGCAATGGGAAAGA
ATGTTTCGAACGCCAAAACATTCCTCGAAAAAAGGTATACCGACGATATGGAGCTTGATGATGCAGTTCACAC
TGCAATCTTAACCTTAAAAGAGGGTTTTGAAGGTGAGATCTCAGGCAAAAACATTGAAATTGGAATAATTGGC
ACAGATAAGAAATTCAGAGTACTAACCCCTGCTGAGATTGATGATTACTTGGCTGAAGTAGAGTAAGCAACAT
GTTTGTCTGCAGAGGAAAGTTCTTCCAAAGGCAGCTGAGTGTTTGATTTTGAAGTGAAGTGAGCCTGCGAAC
TT

>trans_s_1930 BT010538|Arabidopsis thaliana At3g62220 gene, complete cds

CCTCGTGACATGGGCCACGCCAACTTTGCGAAGATAAAGTTAAGCAGTGTGTTGATGCAAACTAGGAAA
TGAGTACCCTCTAAGTCAGTTGCTAAGTTTGCAGCAGTGGCTGCATTATGCGTTCAATACGAAGCAGATTTC
GACCAAACATGAGTATTGTAGTCAAAGCTCTTCAACCTCTCTTAAATGCCCGTCCTGGCCCTTGAGGTGAAACC

ACCAACTCTTTAAAATCTCTCTTTATCTCTTTTACTTTTCCTGTGGATTCTTGTTGTTACTACTTCTTGGGTCCAC
GTGCTGACACGTGACGTGAGGGTTCCAAATTATTACCCGGGGGTATTCAATTTTATGTTGGTGGTGGGTGATC
ATCAATTTGTTTACAAAAACAGTGAGATACCATAATCATGATTTTTTTATGTCATATATGAACGACGTGTCGTC
GTTTCTTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGCCCCGG
CCCCATTCCCCCAAAAGGGGGGCAAAAAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCCCGGGGGGGGAA
AAACCGGGGGTTTCCCAAATTAATCCCTTTGACCAACCCCCCTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAA
GCCCCCCCCCTTCCCCCTCCCCAAATTTTGGCCCCCAAGGGGAAGGGGAACCCCCCTTTCGGCCCCCTT
AACCCCGGGGGGGGGGGGGGGTTTCCCCAGGGGGGCCCATATTTTCGGGCCCCAGACGCCCTCTTTT
TTTTTTT

>trans_s_1931 BT025767|Arabidopsis thaliana At5g47830 mRNA, complete cds

AGAACCCCAAAAGCCAAACAAACAAACTGTGCGATACCCCTGATTTCTCCTTGATAAAACCAATAATACCT
TGAGCTTAATTTGCCGATGATACCATGGACTGTTTGAAGTCCGACATGATGGAGGCTGAATTTCCGTCAATCA
GAGCCGGCGAAGGAGATTCCGTCCGCCACTTACTCACATTAGCTCGTCAATTCATCAATCAACGAAAGCCTTCC
CAAGCTCTCCAAGCGGTTGTAATGGCAATGAAACTCAAGGTGGGGATGCAGCAGTCTTCCAATCTTGCACC
GTGCAAGAGAGCTGTACAGAACCCGGTTGCAGGAGACTGCTGATGTTGATCAACTAGCTTCTTTATTTGCAGA
GTGTGCTATAGCGGAAGCCAGCAGCTTTGAACCTGAACCTACTGAAATTAACAATAACATGTCTAGCTCA
TCAGTTGTGCAAGGTCATGCTAATCAATTCTGGCAGAACTGGTAGGATGCAAGTTGTTATGGATGCCTTCT
CAGATGGGAGCAGTTTTATTTGTTTACAATGTGGGGGTCTTGTTAGTAACCATCGCAAAGACGAGCATTATGC
ATATTGGTGTGCCCATATCTAATTGTTTTAGTGTATCAATCCTCATTCTTGTCTTACCTGGCGAAAAATATCCT
CCAGAACTTCGTCTTTTGTGTCTTTCAATTTGTACATGCCACAGCTGCTTTTATGTTGGCAGCCCTAGTTGTTG
TCGATGCTAGCAAGCTAAGGTTTTAAACGGTGTGCAATTGTTGTAAGCGAGTTCTTCTTGAGTAGCTTGCA
ACATATTCCTCTGTACAATGAGAGAGATAAGAGAAGTATAAACACAATCAATTTGGTTTGCGAAGATCATCCT
CATACATAAGTTCTCATTTTAGAAGAGACAGTAACCAGCCCGATATATGGGCTTATTGTATGGAGATACACCTA

>trans_s_1932 NM_001063710|Oryza sativa Japonica Group Os06g0221100 (Os06g0221100)
mRNA, complete cds

ATCTTTTTGTAGAGAAAAATAACGGGGGGTTTTCAAGTTCTTATGCTGCACAATCCATGGCTGAGAGGAGATG
AGAGGAGGATGATCTAGTGGGAAGCAAAGAGAATCTGAAGGTTAATGGAGAATAAGCTGAGTTAAGGATAG
AGGATTTTGCTGCAATCAATTGATTGATTCTTCTCTCTTTACTTGAACCCAGTAATGGGTAAGCAACAATC
CTTGCGCAGCAAAGCAGTCCATTTTGTCTCCGATATCACCACCGTTCTTCTTAACCCAATCTCTGACAAACCTC
CGCTACAGCCTCTACCCATCCTCAACATCATCATTACCTGAAGATGCGACTGACCTTAAAGACGACAGTGATC
TAGGGTCAGCTAGTGAACAGGGTTCCGAATATTCGGAAGATGGCCCTGATACATCTTCGTTTACTGCATTCTA
TATCCCTCCTGTATCCTCAGAATCGCAGGAAAACTTGAACCTCCGATGAAAGAAATGATAATCAGGCAGAAG
CAGGCACATCAATGAACAATGCTGCAAAAGAACTGTTACGAAAAGAGCTTGTTTTCTAGGGGGGAAACAAT
CGCTTGGTAGAGCTTTTCATCATGCTGCAAGAATCACTGGACACCGAAATCAGGATTGGAAGAGTGATGTTGA
CTTGAAAGTTAATGATTCTAAATTTTCTGGAATTGAGATGATGGAAAAGACAAATGTAAGTGAGGTTCTTTCG
TCAGTTTTTGTCCCTGATGCATCTGAACCTTCAGTGCTTCTTTCAGAAAAACTAGAACTGTTCTTTATGCCTCC
CTTCAGCTCTTGTCAGGGAAGGAAATGGCTTTTGCTATACAGTACGTGGAAGCATGGGACATCTTTTCAA
CTCTATATAGGAGAAGTATGCTTTGGTCTGGATTGAGTTTGTGTTGTTGGTGATCGGAAAGGTGCTGTATTT
G

>trans_s_1933 NM_112855|Arabidopsis thaliana cyclin-related (AT3G19650) mRNA, complete cds

ACGGTAATGATATGATATCACTTCTTCACCTTCCCGCGAGACGAAGCCCTAACTTCCCTCTCTTTCTTTTTTTCAT
TCACACAAATACCTCAACGGCGCAAACCAATGTCACGTCGTGAAGCTCGGGAATCCGATTCCAAGCGCCACC
GTTCCCATTGATAGAGAACCCAGTCCCAAGAGGTCAAAGAGGGACAGGAAAACATTAGAGGAGAAGTTAT
CTAGAACTCTAGTTCTCTTGTGAAGATAATAAAGATCGGGATCAGAAACATGAGCTTCGTCTGTGGGGCA
AGACATGATACCGCATGAGTCTTCATTAGCACTTGAGTCTAAACCAGAAGGTGGAGCTGGCACAGGAGCAAA
CAGGAACAGTGATGGGAGAGATGGAGGGACTAAACATTCACTGAATCCCAATGAAGTGCCACGATCAAGAT
CTTATTTTCAGCACGATGAACGCGTAATGCCGGGCAAGTTGGTCTGAAGCTTTGGTCTGGAGTACAACTAGTGA
GCGTGGTTGGTGAAGGATTCAAAGGATCCAGATAAGGATATTGATAGGAAGACAATAACTTATAAGTCACA
GCAAAGAGATGAGAAATCACAGCTGCGAGAGAGGATAGGCACCATGAAGGGTCGTGAACTGGAGGTTG
ATGCACTTACTCCTGCTCGGAAAAGGCTGCATTTAGGGAGAAGAAGATTACAGTAGACAATGAAGATGGTG
AGAAAGTGGCAATGGTACCAGAGAGTAAGAAATCAAGTGATATGCACCAGATTCAGGAGGGAAGGGAACGA
AGAGAAGAAAGAGGCCGCGACACCCGCTATTCTGAAAACTTAATAATAAGCATGCCAATGGAGACATGGCT
TCCAAAAGGGATGAAATGAAGAGAGTCGGCTATCCAGTGAGAGAAAAGATATGGCATGGAAGTGGTGGGTG
GAATTACAGGGGAAGGG

>trans_s_1934 XM_002873107|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase/ transition metal
ion binding protein, mRNA

AGAGTTTCCCAGGACGAGACTATGGCAGACGAGACCTTGGTTGAAGCTGCGCTTCGAGTCTCAATACTTCCG
ATCCCTTCGAAAAGGCCGGACTAGGCGATAATGTAGCTTCTCGATGGCTTAACGGTGCCATTTCAAGCCTTTAC
GATCCCTCTGCCGACCTTCCCGTCCCGATCGCCCTGCCAGGCTTTCCAATGTTAAGTTGGTATCGCCGAGTCT
CATGCCGAAGCTGGGGAAGGCGGGAAGCTTACAGAGCAGGCAGGCTATTGTGCATAGTCTAGTCCACACTGA
AAGTTGGGCGATCGATTTGTCGTGGGATATAATAGCTCGGTTTGGAAAACAAGAAGGAATGCCAAGAGAATT
CTTCACTGATTTCTGTTAGGGTAGCTCAGGATGAAGGTAGGCATTTTACTCTTCTGGCTGCACGGCTTAAGGAA
CTGGGCTCTTTCTATGGAGCACTACCTGCGCATGATGGCCTTTGGGATTCTGCTATTGCTACTTCCAAGGATTT
ATTAGCACGCTTGGCAATCGAGCATTGCGTTCATGAGGCTAGAGGGCTGGACGTGCTTCCCAACCATTTAC
CGGTTTCGAAATGGAGGTGACAATGAGACCGCAGATTTGCTGGAGAAAGTAGTGTATCCAGAAGAAGTGACC
CATTGTGCTGCTGGAGTAAATGGTTTAAATATCTTGGCAGAGGTCAATGGATAGGAAGTTGGATGAGGAT
GATGATGGCGCAGAGGATAATGCAATGGAAATGGAGAAGGAAGAAACCATTAAAAAGTTTCATGAAGTTGT
GAGAAAGTACTTCAGGGGGCCATTGAAGCCACCTTTTTCATGAGTGGCTAGAAAAGCTGCTGGTTTTGGCCCT
CAATGGTATGAACCACTTGCTTCAAAACAGATTCTACCTCCATCCACAATGAGGGGATGGAGCTGAAGTTCT
TTTCCAAAC

>trans_s_1935 AF295636|Elaeis guineensis QM-like protein mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCCTTAAAAACCA
AGATTCTTGATATATCCCCATCATAATAGATCGATAAAACACTGCCAGAATTAATTTGAGGTTTAATACAAAC
AAAATATGATAATAAAGACTTGTTCAAGTGTCAAATCGACCAAAAAAGAACTGCAATTGACAAAAACGAAAT
AACTAGCTGATCTTAGGCAGTTTGAGGTAGAAATGCTCTCCAGGTTGACGATTAGCTAAAGGCCCATGGCAT
CCAAGAAGCTTGGCATTAAACACCATCAGGAAGAATTTGTTTTCTGCCTTGTAAGCCACTATATCAGCCCGACT
GAATTTAGTGAAACCCCACTTCTGCTGACAAATGATCTTCTGGCGACCAGGGAATTTGAACTTGGCACGACGG
AGGGCCTCCTGTGCATGTTGGCTGTTACTGTCCTTGACCCGAAGTGAAGAAGAACCTGACCAATGGCCACTC
TTGCACAGGTTCTTGTGGTTTGCCAAAAGCACCTCTCATACCGGTCTGGAGCCTATCAGCCCCAGCACATGAA
AGCATCTTGTTAATTCGAAGAACATGGAAGGGGTGCACCCTGACTCTCAAATGGAATGCGTCCTTCCAGCAA
ACTTTGCCATATACTTGTTGCAGGCAATCCTAGCAGCTTCCAAAGCTTCACTGGACACATTTTCTTTCTCCCAAC
TCACTAGGTGAACGCAAAATGGAATTCATCCACACCCTTCTTTTTCATTCCAACGTCATAGATCCTGATCTTGG

GATCGGGGACACCACGACAAAATCTGGATTTTGGATAAGGCTTGTTTTAATTTGCCTGTAACACCTTGCAGGT
CTTCTCCCCATGGCGTGCCTCGTTTACCTCTCCAGTCTTCTTCAACTTGACCTCGTCCGCT

>trans_s_1936 NM_180027|Arabidopsis thaliana zinc finger (C2H2 type, AN1-like) family protein
(AT2G41835) mRNA, complete cds

AATACACGGAACTTAAAGCTTCAGAATTTCAATTCCCCTGTCCAGTTTCACCCAATTAACCTCCTAATCTCTCT
GTAATCTCTTTATTTCTTCACAATTTGTAATCTTCAAACCCACTTTTGATATATATATATATTTTGGGGGTTTT
AATTTGGGTAATGGGAACCCCGGAATTCCTAATCTCGGAAAGCATTGCAACTTTGCAGTATGTAAGCAGATC
GATTTCTTGCCCTTTACTTGCGATTGCTGTACCAGGTCTTCTGTTCGGAGCATCGTAGCTACAATAGGCATAG
TTGTCCAAAAGCAGATAGACGGGATGTCACGGTTGTCATTTGTCCGCTGTGTGCCAAAGGAGTTCGTCTCATT
CCAGATCAAGATCCAAATATTACTTGGGAGATACATGTAAACACTGAATGTGACCCATCGAATTATGATAAAG
TCACAAAGAAGAAAAAATGCCCTGTACCTGGCTGCAGGGAATTGCTAACATTTTCAAACACGATCAAGTGTCG
GGACTGCTCATTAGACCATTGTTTGAAACATCGGTTTGGACCTGATCATAAATGTCTTGGTCCGAGAAAACTTG
AACCAACAGGTTTTCCATTTGTTGGTCTATTAAATAGAAGTAGAAAAGAAGAGAAAGGGCCTAAGAAAGCATT
GCCGACCACATCCTCCTCCAAGTGGACTGCGTTCCTTAATGCAGCCTCATCTGTGAAAGCCTCAGCTGAGGCG
AGCATGACGAAGTTGTGAATGAATTCAGTCAAACCTTGATATCATCGAGTAGCAGCAGCAATGGTGTAGGT
CGAAATGGACAAGTTGAGCAATGTCCACAATGCAGCGCTAAGTTTTATCAGTTTCATCGTTAATAGACCATGT
TGAAAAGGTTTCATGAGAGAGGTGGAAATCGAACTGGGGCGAAGAAGGTTGTGATCGATGCTTGTCCCAAGT
GT

>trans_s_1937 BT029521|Arabidopsis thaliana At4g19100 mRNA, complete cds

ATGAAAACCTTATCCTCTTTCACTGCTCTCATCCATGGCGTCCGTCCCTGCTTCGCATAGTGAATACAAAATGTA
AGAGACGAGTCGACTGTATTTCACTTTATAGACAAACCTTCATGGCCGCCATTGCCGGATCTCTCAACCTTCC
TCTTGCGCCTTCAAACCTTCCATTACTCCGCATTAAGAAAAATTGTGAATTCTCAATCCATATAAAAAAGCTACGA
AAGAAATTGTTTTCAAATTTTAGACCAACCATTAAACAAAACCAAACCTCGCACGAACCATCCCACGAGTTTAA
ATGCAACATTGAGGCGTCCGAAGGGATTTCGACCAGCTCCAAGGAAGAAGAAGATGAAGAAAACAAAAGGA
GAAGGAAGGGAGGATGATGACAATGACGAAGATGAAGAGGAAGACAAATAGGATGATGAGTAGAATGGGA
TTTACGGTGGGGATTCCATTGTTTATAGGGCTATTGTTCTTCCCATTCTTCTATTACCTCAAAGTTGGGCTGAAG
ATTGATGTGCCCTCATGGGTGCCAGTCATAGTCTCATTCTTCTTTGGCTCAGCTCTTTTGGGAGTTAGCTAT
GGGATTGTGTCCTCTAGTTGGGATCCTATGAGGGAAGGCTCTTTATTGGGTTGGAATGAAGCTCAGAAAAATT
GGCCTGTTTTTGGCAGTCCATTTTGGGGTGGATCTAATAAGAAATAGATGAATTGGCTTTTATCTTCTTTCTTT
CTCTTTCTTCTCTGTTCTTTTCGTATAAATATTATGGTCTTTTCTATAAGTGATATGAGAAGCTAAAACAAGC
ATAGTTCGTAGTCCATCTAGTTGAACTTAACTCAATGGTAGTCAGCAATAATCTTCTAATCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1938 NM_129622|Arabidopsis thaliana apr-1-p processing enzyme family protein
(AT2G40600) mRNA, complete cds

ACTTTCCGTCAGCTTCCATTTGACCCGCTGGCATGATTTGATGACAATCGCAGGCACTGCTTGGCAGAACAGTG
TGTCTGTGGGCATCTCCCTTCTCCGCCGGGTTTCCCTTTGCATTTCCAATCCTTACCCTCTCTCAAATCTCTC
CTTTTACCTCATTTCACGATCAACACCAAGAACCTTTGCCGTTTCAATGGCCAATGAATCCCGCAGTGGAG
TGGTTGATTCAAAGTGTCTCCCTCAACCGATTGCGTTATTGAGAAGGGTGACATCACAAGTGGTTTCATCGAC
GGTTCTTCTGACGCCATTGTCAATCCAGCAAATGAGGTAATGCTTGGAGGTGGTGGCGCTGATGGAGCCATAC
ATAATGCTGCTGGGCCAGATCTTGTACGAGCATGTTATTCTGTCCAAGAAGTCCAACCTGGAATCCGTTGTCCA
ACTGGAGAAGCAAGGATTACGCCAGGTTTTCGGTTGCCAGCATCTCATGTAATCCATACTGTTGGACCTATCTA

CAACGCCAGTAGAAACCCCCAGGCCCTACTGAGAAGCGCATATAGAAATTCCTTGGCTGTGGCAAAGGAGAA
TAACATTCAATATATTGCATTTCTGCCATATCCTGTGGTGTATTTGATATCCTTACGATGAAGCTGCCACAAT
AGCCTTATCTACCATTAAGAGTTTTCCAGGGTTTGAAAGAAGTGCACTTTGTCCTTTATGCTCCTGATATTTA
CAATGTTTGGTTGGATAAGGCAAATGAACTGCTCAAGAACTAGTGCAGGCTGCGTTGGTAATTGTATCATTCA
CCTTCGCCCTTTAACGCTTGTGTCGTATTCACTCAACAGAATTATGCTTTCTCATCAAATTATCTGAAGGGGCT
ATTCAATAAACTTTGGATCGTTTCTACAATGTAGAAGATCTTTATAAATCTAACTGCTGATAGCTTG

>trans_s_1939 AB597302 | *Cucumis sativus* CsChIAOR mRNA for chloroplastic alkenal/one
oxidoreductase, complete cds

ACCCCGTCGATGGAACGGATGCTCGGGAAGTTCAAGGCCACTGATTCTCCTCTTCCGACAGTTCCAGGATAT
GATGTAGCAGGTGTGGTGGTGAAGGTGGGAAGTCAGGTAAAGGAGCTTAAAGAAGGGGACGAAGTATACG
GCAACATCAACGAGAAGGCTCTCGATGGCCCCAACAGTTCGGTTCTCTTGCAGAGTACACAGCCGTAGAAG
AGAAATTGTTAGCCTTAAAACCCAAGAATATTGATTTTATCAAGCCGCTGGATTGCCTCTTGCCATTGAAACA
GCCTATGAAGGCCTTGAAAAAACCAACTTCTCTGCTGGCAAATCAATCCTCGTTCTCAACGGTGCTGGAGGAG
TTGGTAGCCTAGTCATTCAGTTAGCAAAAAATGTATTTGGAGCTTCAAAAGTTGCAGCCACTGCTAGCACTGG
GAAGTTAGAGTTTTTAAAAAGTTTGGGTGTGGATTTAGCCATTGACTATACCAAGGAGAACATTGAAGATTTA
CCCGAAAAGTTTGACGTAGTCTACGATGCAATTGGGCAGTGTGATAAGGCAGTGAAGGTAGTGAAAGAAGG
TGGCAGCGTCGTAGCGCTGACCGGTGCGGTGACACCACCTGGTTTCAGATTTGTGGTTACTTCAGATGGAGCT
GTTCTAAAGAACTGAACCCCTATCTAGAAAGTGGGAAGGTCAAGCCGATTGTGACCCAAAAGGACCGTTTC
CATTCTCCCAAGTCGTAGAGGCCTTCGCATATGTTGAAAGCAGCCGAGCCACTGGAAAAGTAGTCATACATCC
AATCCCATGAGGGCATTAACTGTGGAATTTGTGAGAAACCTTTCCCAATCTTGTTCTACTCTGCAATGGCTAT
GTAACTTTTAGAATTATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_1940 NM_126335 | *Arabidopsis thaliana* APK2B (PROTEIN KINASE 2B); ATP binding /
kinase/ protein kinase/ protein serine/threonine kinase (APK2B) mRNA, complete cds

AGCTTGGAGAATCATCTCTTCAGAAGGGGTTCCCAACCTCTTTCTTGGGCATTGAGGATCAAAGTGGCTATAG
CTGCTGCCAGAGGGCTTTCCTTCTCCATGAAGCCGAATCGCTGTTATATATCGCGATTTTAAGGCATCTAAC
ATCCTACTTGATGCGGAATTTAATGCAAAGCTTCTGATTTTGGTTTGGCGAAGGCTGGTCCAACCTGGAGATA
GAACTCATGTAATACTCAAGTTATGGGGACCCGTGGCTATGCTGCACCCGAATATATTGCTACAGGTCGACT
GACATCCAAAAGTGATGTTTATAGCTTTGGAGTTGTGTTGCTCGAATTGTTGTCAGGTCAACGTGCTGAGGAC
AATCTTGTTGACTGGGCAAGCCCGTATTTGGGTGATAAAGAAGGTTATCCGAATTATGGACACCAAACCTCG
AAGGACGATATTCTAAAAAAGGAGCTTATGTAGCTGCAAATTTAGCTTCACAATGCCTTAGGAATGAACCAAG
GGCCCGACCTCGAATGGCAGAAAGTTTTGGGTGCATTGGAGGAACTTGAAACCCCAAACTCCAGCTAGAAT
CTCACATTGAGTTCAACATACTCTACTTTGTCAAACCTCAAACACTGATGGGTCTCTTTCGACACCGCATCAGAA
GTCACCACAACAATAATAATGAACATGTATTGTATAGAGCCTTCTAAGATCTGAGCTGGGTAAAAATCTTTCAT
AACGTCCATGCTACTGCCAAATATTGAGTAACTTTGTTTATATAATGATTTTAGTTAACGAAACATAGAGGAA
ATTGAATAGTTTCTTAAGTAAGTTTAGAGTATCAACATGTATAACACAATACAAAATTGCAGACTAATATAGTT
CCTTTTGTAATCTTTAAAAATGATGCAATATACACAATTATTAATCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1941 NM_104178 | *Arabidopsis thaliana* cytidyltransferase family (AT1G53000) mRNA,
complete cds

AATAGAAAGGAAAAAAGGGGGAAGCAACAGCCAACAGCCCAATTTCCCATCGGTGCAATAGCGAGCTCTTT
TCTTAGCGGGAGACCATGTCGGTTTGTCTTCTTCTTCATCTTCATCATCCGGTTACCTCGGCAGTGCCAAGGCC

TGGATTGTTTCATAGTATCGTCGCCGGAATCGCTATCGGTGCCGCTTCGGAGCTCGATCTTATTTGGGTCGATC
CAAGAGATTCCGTAGCCGCGTTGTTGGAATCATTCCC GCCGCTTTGCCTCTTCTCGGTTTCGAGGGGAAGCCTC
TCGTTGAGATTCTGGGAAAGCCCATGATCCAGAGAACATGGGAAAGGGCGAAAATGGCTACTACATTGGATT
GTGTTGTTGTAGCAACCGATGATGCTAAGATTGCACAATGCTGTAAAGGATTTGGTGCGGATGTTGTAATGAC
ATCAGAGTCTTGCCGGAATGGGACTGAGCGTTGTAATGAAGCACTTCACAAGCTTGAAAAGAAATATGACAT
CGTTGTAAATATTCAGGGGGATGAGCCTCTTATTGAACCAGAGATCATTGACGGCATCGTTAAAGCTTTGCAG
GCTGCCCCGGATGCAGTGTTTCAGCACTGCCGTGACATCCTTAAATCTGAAGATGCATTGCATCCCAATCGGG
TGAAGTGCGTAGTGGATAGTCGTGGTTATGCTATCTATTTTCAAGAGGACTGACCCCTTCAACAAGTCAGG
AAAGGTCAACCTTCAATTTCTTATTTGCTTCATCTTGAATCCAGAGCTATGATTGAAATTTTAAAGTATTTA
TCCTGAACCTGAAACAACACCATTGCAACTAGGAGGAGGAATTAGAACAGCTAAAGTATTAGACATGGCTA
CAAAATGAAGGTACAGCTCATCTTTCTATGGTATATAGCATCTTTCCCGCTTTTGAAAATTCATATACTTTCT
AA

>trans_s_1942 NM_125126|Arabidopsis thaliana GS1; catalytic/ hydrolase (GS1) mRNA, complete
cds

GATGCTTCAATTCTTGCAAAGCCCTTCTCCACTCCAACAAGACTCTTTCAAAACCTTCATACGTTTTCCCAAATCC
AAAATTTTCCATTCTTCTCAATTCCAATTCCAAATCGCCCTGCAACCACAGTTTCAATGGCGAATCTCTCCCC
GACACTACTTCCAAAGGATCCATCACTCACGTTATCTTTGATATGGACGGACTCTTATTGGATACTGAGGGGTT
TTACACTGAAGTACAAGAGAGAATTCTGGCTAGGTATAATAAAACGTTTGATTGGTCACTTAAGGCAAAGATG
ATGGGTAGGAAAGCTATAGAAGCTGCTCGGGTCTTTGTTGAAGAGAGTGGGATTAGTGATTCTCTTAGTCCG
GAGGATTTTCTGTGGAAAGAGAAGACATGCTACGAAGTTTGTTCGCAAAGTGAGCTTATGCCAGGAGCTA
GCCGGTTGATCAGGCATCTTCATGCAAAAGGAGTACCATTGGCCTGGCCACCGGATCTCATAGACGTCATTT
TGAATTA AAAACACAAAGACATGGTGAACTTTTTAAGTTGATGCATCACATTGTTCTTGGTGATGCCAGAG
GTTAAACAAGGGAAACCATCTCCGATATATTTCTTGCACTGCTAAAAGATTGAGGATGCTCCTGTGGATC
CGGAAAGAACCCTTGTTTTGAAGATGCGCCCTCAGGTGTTCTTGCACTAAAAATGCAGGAATGAAGGTAAT
TATGGTTCCAGATCCAAGTTGGATAGTTCTCATGGAATGCAAATCAGGTATTGAGTCCCTCTTGATT
TCAACCCTAAGGAATGGGGTCTGCCTCCTTTGAAGAATCAGAAAGCTAAGGCCCTCCATTGGGGTCATGTT
GCTGAGATACAAAACCTCATCTTCTAACAGAAAGGTAGATTCTTTTATTCAACATTTCAAGAGAAGGGTCCC

>trans_s_1943 NM_124901|Arabidopsis thaliana RAN3 (RAN GTPASE 3); GTP binding / GTPase/
protein binding (RAN3) mRNA, complete cds

ATTCTCTCTCACTCACACCCATTTCCAATTCGACGCATTCCCCATGGCTTTGCCGGACCAGAAGACTGTTGATTA
TCCTAGTTTCAAGCTCGTCATTGTTGGTGATGGCGGCACTGGAAAAACCACTTTTGTGAAAAGACATCTCACA
GGGGAGTTGAAAAGAAATATGAACCAACCATTTGGCGTGGAAGTGACCCCTTTGGACTTCTTCACAACTGTG
GAAAAATTAGATTTTACTGCTGGGACACTGCTGGGCAGGAGAAGTTCGGTGTTTACGGGATGGCTACTACA
TTCATGGGCAATGTGCAATCATCATGTTTGATGTTACTGCCAGATTGACATACAAAAATGTTCTACATGGCAT
CGTGATCTTTGCAGGGTGTGTGAGAATATTCCAATTGTTCTTTGTGGAAACAAGGTGGATGTAAAAACAGGC
AGGTTAAGGCCAAGCAAGTCACATTCCACAGGAAGAAGAACCTACAGTACTATGAAATATCTGCGAAGAGTA
ACTACAACCTTTGAAAAACCATTCCTTTACTTGCCAGGAAATTAGCTGGGGATGCAAACATTCATTTTGTGAG
TCTCCTGCCCTTGCTCCTCCAGAAGTACACATTGACTTGGCTGCCCAACAACAGCATGAAGCTGAGTTGGCGG
CAGCTGCCAGTCAACCACTGCCAGATGACGATGACGATGATTTGAATAGAAACGTGGCTTGAACATCTGGTG
ATTTTCTTTATCAGATTATCTTTATTTTCTCTTTTCTCCGAGTGATCTCGGTGCTAGGATTGACAGGAGGGAA
TTTGATTGTTGGGGGGCTGGATTGGGTGTGGGGTATTGATAGAGATTGAGTTTGAACGTCAAGTTTT

CCCGGAACAACCAGAATTTGGTGTGATGATTGGTTTTCTCTTTGTTTGTGAGTGAGTGAGTTGTGTATCG
A

>trans_s_1944 NM_001186177|Oryza sativa Japonica Group Os02g0664700 (Os02g0664700)
mRNA, complete cds

AGTTTTTCAAAGGTAATTTGGGGATTTCTACGATTTGTTGTCGTCTCCTTCCTTGGGAAACCCTTATTGAGGAT
TCAAGAACGATAAATTTTTGAGGTTTCTTTTCCATGGAGGAAACCAAAGCAGCAGTTCTCCAACCTACAGCT
CCATCTCAGACATTGCCTCCTCTTCTCCCAAACCTAAGAAGCGCCCACTTGACAGAAATGCTTACGTCCAATTT
ACAAAGATGCGCGCTGTTATTAGAGATCTTCGTCTCATTTTCTCGAGGTTATGAAGACTCCTGACTTTCGCAA
TTGCAAGGCAGCTACTGAAATTCGAGAAAGAATAAAGGTTCTACAGGACATGTATGCATCGATGATGTCAGC
AACTTCAGAACTCTTTACATTGAAAAGACTTGTAAATGTGCTCGATGGTCTGGCCCGAGAACAAACCATGAT
GGTAAACTGGGGGACAAGTCATCTACAAAATCATATGAAAGTAATAACCCTTCAAGTTATGCCCCAGAAAAGC
AGCGTGCGAATGATGGCCCGATATCTGGATCTTACGTTGTTGGTGGATCGGCATTTGGCTGGAATTTTCATTGC
CTTCACAGGTACCGAACCGGTATACTATGGAATTACGAAGGAAGTATTCGAGAAAAGAATCCCATTGATTCA
TCAGAATCATGATTTTGAAATTAATATGCTAGGGAAGTGTCTATTTTATCATGACTTAAGATGAACATTCGAT
AGATGAAATAGCTTCTATTTAGAATGTGAAATTGTGAATCTACAATGTGGAAGTTAAAGTAATGAAGCTATT
AACAGTGATGTTCTTTTATCTAATACCTTAGATGTTTAAACATATGGAAATGGGGTCTTTGTTGAACCAATTTCCA
AGTAATGTACAAAATTGTTGCTGCTGAAATATAGACATATAAATTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1945 NM_001058886|Oryza sativa Japonica Group Os04g0274400 (Os04g0274400)
mRNA, complete cds

ATGTTCCCTTCTTTCACCTCTCACCACGCGTGGCAAGGCAGTACGACTGGTCAATTGAATCGGTGATTTTGCAG
GCTGCCGCTATGGACTAATCGTTAGGGTTTCTGTTTAACTTTGAATATCAAAAGTATTTAGAAATCAGAAGA
CATTTAATTCAGTATTAACAAAAGTTTATTAAGATGGAGCCGGAGGTGATAGAAGCAGAGTTAGTGTGCCC
ATCCACCTTAATTTCAAACGAATTCAAATGTACGAAAAGTATCCTAAAGGCCAATCTAGAGGCAGGCACTGGA
AACATTTGAAGCAAATCTTCAAGCCGAGAACTATAACAATTACTCCCCTGATGAACCCAACTATGTTAATATT
GAGTCACCTCCCTCAATGCATCCATGCAAGAGAATTTGTGATATAACAGGATATGAGGCACCATACTATGACC
CTAGGACTACCTTCGATATGCAAATGCTGATATCTTCAAGGCCATAAGATCACTTCCTAATGAGTACGTCCAG
AGGTATTTGGCCATGAGAAATGCAGCGGTAGTTTAAAGGTGAAGATATACAACACTTCTGTGCTCGTGCAGCTT
GCAACCCTTCGAGGATACGAAGTGAAACCATTAAGCTTTCATGTGGTCAAGATGCAAAGAGAAACCTGTC
AAGTAAGCTCAAAATGTATCATATGTCTATTTATTCTATCATTTTGTGTATTTAATTGTCTTTCCAATTCATGTT
GACTTGGTATTTGTTAGCAAAAGTTGAGTCGTTACTTAGAAATCTCAAGGCTATCAACAACCCTAATTGGAT
TGTAAGTTGAGAAAAATTAAGGTATATTTACGATTTTTTAAGAAATTGACGTGTTTGATAACTATTTCTATTTT
CGTTTCAAATTTTAATAAATGTTTCTAAAAATTGGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1946 NM_106665|Arabidopsis thaliana lactoylglutathione lyase family protein /
glyoxalase I family protein (AT1G80160) mRNA, complete cds

TGGATTATCGCAACGTCTGTTACTTCTCTGTTTCTCTTCTCGTCGCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTC
TTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCATTTTCTCTCTAAATCTCATTTTAGGTTTCGAAAAATCTA
TCCATAAAATGAAGGAATCGGAAGGAAATCCTCTGCATCTAAAGTCGATCAACCACATATCGCTTCTTTGTAG
ATCAGTGGAAGAATCCATTGAATTTACCAAATATTTTAGGGTTTTTCCCATTTCGTAGACCTGGATCCTTCAA
ATTGATGGCGCTTGGCTTTTCGGTTACGGCATTGGAATTCATCTCTTGAATCGGAAAAACCTGAGAATTTGC
CAAAAAAAGGCGAGATTAATCCCAAGGATAATCACATATCATTTTCAGTGTGAGAGCATGGGAGCGGTAGAGA
AGAAGCTAAAGGAAATGGAGATTGATTACGTTTCGAGCAGTAGTAGAGGAAGGAGGAATACAAGTTGATCAG

TTATTTTTCCACGATCCAGATGGATTTATGATTGAAATATGCAACTGTGATAATCTACCGGTGATTCCATTAGGT
GGGGAGGTGTCAAGATCATGTTTCGCAGTTGAATCTTCAGATAATGCAGCAGCAACAGCAGATACACCAACTC
GTTTAGCACTATCATGGTATTCGTATCATCATCATCACTTGCTCTCTGTATAATGATGACCAAGAATCCA
TTAAGAAATATGAATCTATTTTTGTTGTAATTGTTGTTATTATTCTGAAGGTGTTTTGAAATTTAAAAAATG
TACCTTTGCTTTGCTTGCTTCTTTGTTAGGAGATAAGGTGGACATGTCAGCATTTTGGGACTTTGTTATATC
ATATGAATAAGTACTTATTGTTGTTGTGTTTCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1947 XM_002872414|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata short-chain
dehydrogenase/reductase family protein, mRNA

AATTAGAATGTGCTACGAAAGAAGAAAACGTGGCTAAGTCTTGTTCACTCCTTCAACTCCAACGGTTTCGGA
GTCTACTACGGACCTTACCAACTCCATAATTCCCCATTAATATGGAAGCTGCAACTCTCCAGCTTCGAATCCAC
ATCTCCATTGGAACACTCGCAATGTTTCTCAAGGCATGGAGACTATCAGCTTTTGGGGTCTATGGCTACCT
CAACTTCACCAAATCTGCATTATTGAACATTCTAAGATGTTCAAACCAGAGGATATGCAAACGAACATTGAAG
GGAAAAATTGCATTGTTACCGGAGCGAATTCCGGGATTGGATATGCAACTGCAGAGGGTTTAGCATCACGTG
GAGCTACTGTCTACATGATATGCCGCAGCAAGGAAAGAGGAGAAGCTGCTCTTCCGAGATAAAGTCTAAAA
CAGGAAACCAAATGTTCAATTTGGAGGTCTGTGATCTTCTCAATCAGGGACATTAAGTCATTTTCTCAAAT
TTTATTTCAAAGAATGTCCAGTCCACGTTCTGGTTAACAATGCTGGATTGCTTGAGAAAAATCGGATTACGAC
GTCTGAAGGGTTTGAATTGAACCTTGCTGTGAATGTTTTAGGCACTTATGCAATGACTGAATCATTGTTGCCAT
TGCTGGAGAAAGCTGCACCTGATGCAAAGGTCATCACAGTTTCTTCTGGTGGAATGTATTAGTTCCCTTAACC
GATGATCTGCAGTTTAGTGAAGACCAATTTGATGGGGCCATACAGTATGCACTTAACAAACGAGTTCAGGTGG
CTTTAACAGAGAAATGGGCAGAGATGTACTCTAAAAAAGGGATTGGATTCTACTCGATGCACCCCGGTTGGG
CCGAAACACCCGGAGTGACTAAATCTTTACCGAGTTTCTCTAAATCTCTCTCGGGGAAGCTAAGAACGAGCGA

>trans_s_1948 XM_002329906|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA

GGTGGTATTTTTGGATGATGACATAGTCGTGCAGAAAGACCTTACTGGCCTTTGGTCTCTTGATCTGAAGGGG
AATGTAAATGGGGCAGTGGAGACTTGTGGAGAAAGTTTTACCGTTTTGATAAGTATCTTAATTTCTCAAATG
AGCTCATATCAAAGAATTTTGACCCTCGTGCTTGTTGGCTGGGCTTATGGGATGAATATATTTGATTTGGAGGA
ATGGAAGAGGCAGAACATAACTGATGTATACCACACATGGCAGAACTCAACCATGACAGACAATTATGGAA
GTTGGGAACCTTGCCACCGGTCTAATAACATTCTGGAAGCGCACACATCCTTGTACCGATCCTGGCATGTTT
TAGGCCTTGGATACAACCCTAGTGTCAACCAAAGGAAATCGAACGAGCTGCCGTCATACATTACAATGGAAA
CATGAAACCTTGGCTGGAGATAGCAATACCCAGGTACCGTAACTATTGGATGAAGTATGTTGATTTCAACCAC
GAGTACCTTCGACAATGCAATATTAATCCATAACAAAGGGACCGACCTCAAAGCTTTCTTCTGGTAGCAACAG
ACTCATATTTCTCAGGTGGCATTCTTTCCCTTCTTTGTAAATTAGTCACTTTTAGGTCAATTCTTTATGTAG
AGATTTTTTTTTTTTCACTCCTTAAATTTAGATCCTGATGAGCGAGTGAATCATATTATCAGTTACCAGTTAC
TATTTAGTATTTTTGAATGAAGTGTATTGGGGGTAAGTGGGATCTCAGATGTAGCTCAGTTTGTAATGATTG
AGAGTGTTTTGTTTTTCTAGAAATTTACCCGGTGGTAACAGGGTAAGAATTCTCCTATGCAATGTAATGTG
TACATTAAATTTTGCTAATAAGAAATATAATTGTGTTATTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1949 NM_001056444|Oryza sativa Japonica Group Os03g0309000 (Os03g0309000)
mRNA, complete cds

CGATCTAGGTACTTGGGAGGCAGATTCGCTGCTGGTTCAAGGAGAAACAGGACGAGCAACCGGTATCTACCT
CGCCTTGGAGATGAACTCCCGGACTCTATTGATTGGAGGGCGAAAGGAGCCGTCGCTCCTGTTAAAGACCAG
GGTAGTTGTGGGAGTTGCTGGGCGTTCTCAACTGTAGCTTCCGTTGAAGGCATAAACAGATTGTTACAGGCG
ACTTGATAGCATTATCTGAACAGGAGCTGGTGGATTGTGACAAATCTTACAACGAAGGTTGCAATGGTGGCTT

>trans_s_1950 AF033562|Canavalia lineata ornithine carbamoyltransferase (OCTase) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

>trans_s_1951 DQ224371|Glycine max glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase B subunit mRNA, complete cds

ACGACAATGAATGGGGATACAGCCAAAGAGTTGTCGACTTGGCTCATTTGGTGGCAACCAATGGCCGGGAG
CGGGGTCGGGAAAAAGTGGAGATCCACTGGAGGACTTCTGCCAGACTAACCCAGCCGACGAAGAGTGCAAA
GTTTATGAAGCTTAGGCATCATGTGTCTCGCTGGCTGCTTTAAGTCTAGGCTGTTCTTGTGCATTACTGTACAA
TGTTTGTTTTGAATTCGAATTCAAATTCAAGGAAGAGATTTGAATCTATCCATTTATAAAATTTGAAGGCAGTG
TTCTAAAAGCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTACAAAACCCCCCCCCCAAAGGG
GGGCCCCGGCCCCCATTCCCCCAAAGGGGGACAAATACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAAAACCCCC
GGACGGAAAAACCCCGGGGTTTCCCAATTAAACCCCTTTGAAACACCCCCCTTTTCCCAGGGGGGAAAAA
AAAAAAAAGCCCCCCCCCATTCCCCCTCCCAAAATTTCCCCCCCCAAAGGCAAAAGGGACCCCCCCTGAAT
CGCCCCATAAACCCCGGGGGGGGGGGTTAACCCACCCGGACCCCTAACATTTGCCGCCCCCCTAACCCCC
CCCCTTTTCTTTTTTTTCCCTTCTTTCCCCCACATTCCCGTTTTCCCGAAAAATTTTAAAACGGGGGCCCCC
CTTGAGGTTCCAAATTTAGCGCTTCCGCCCTCCCCCCCCAAAAATTAATTAAGGGGGAGGTTCCCCAGGG
GGCCCC

>trans_s_1952 NM_125086|Arabidopsis thaliana lactoylglutathione lyase family protein / glyoxalase I family protein (AT5G57040) mRNA, complete cds

CGGTTTATACATTNACAGGCTATAGCATATTGCTGGCTTACTTGTACGCGACATGCATACATATATTCATATTCT
AGTTTCCTTGCAAGATGATATCATGTTGTTTGTTCATCCGAACCCATAGTATATTGCAACTGACCTTTTCAG
TGATTTGAAGATCGTGAGGTGTTTAAAGCAGTGGAAGCTCATAGATAGTAAAAGGAGTCTATTTGACAAGAA
CTCAATCAGCCATCCACTTGAGTAAATTCTAAAGCATTTCATCTGGATCTCTTGTAAGATTGCTGGCCTTCCT
GACTTGCTAAGCGTATAGGGAATACCAGCTTTATCAAGGATTGCTTCACTTTGATACGTCCCTTATTCCGAT
ACAAGTGTGACGATCGCGGCTCCATGTTGAGGTCGTCCAGATAAAGGATCAGGGTTTGGAAGTTCATCAA
GTGAATCATCTCAGACCCACCCACAACCAAGCACCTCTATAAGGAAGCTTATCGTGTGGCCTTGCTTCGTTTA
TTTGAAGACCTAGAATATTTAGATAAAAAGTGAAGTGACCTCTCCAGATTCTCGCAGAGTACTCCAACGTGGTG
AACGCCAACCGCTCCATAATCGTTCTCAACATCAATTTCAATTGGCTCTTTACTCTTCTCAAGCACATCTTGCTCA
ACTCCCCCTTGCTCTTGTTGTAAAGCAAATTCATGATAACCACAACCACCAACTCTTCAATTTTCCAGAT
TTTTTAATGAAGAGTTTGTAGATATAGAACTGAAATTGAGAAGATTCACCTTGCGTTTGAGATTAATGGCGG
ATGGCGGAGTTGATGGGCTGAGAAGGGACGCCATTACAGAGCAGGTCAGCCTTCCCTCGCTTTATCTTGTCGA
TGAAGTGAGCATTTGTGGAGCGTTTAGGAACACGATGAAATGAAAGCCACATTCTTTCATGGCCACT

>trans_s_1953 NM_180810|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein (AT5G46250) mRNA, complete cds

TTACTGCGTGTCTTACAAGAACAGTCCTGGTAAGTGGTCAGCTATTCTCCACTGCTGTTTTGTGAGGTTCA
GGTCCTCGCCAATGTTGTTTCCTTTGGCCATGTTTACTCATATGCTTAAGAGGCTTAACCCGCGATGCCATTTCTC
CAATCTTGTTTCATCGTTTAAAGTAGCCACAGCTTTCTCCGAAGCCTCCAGTGTCTCATACTCCACTAGAGCATGC
AACTTATTACTGATCAGCACATCACTCTTGTTGCTTTTCCCAACTTGTCTACCACATGTGGGTCAAAATGGTG
ATGCTTCTTATACGTCCAGCCACTCCAAAATTCTTTTGATATTCTCCTCTGAATGATCCTCTGGTAGATTTTCTA
CCAAAATAGTAAATAACTTAGAATCCCTAGTCTCGGGCAATGAAATAGGATGGAGTCGCTTGACTTTTTTCCCA
TTAGAACTCACGACAAGAACAGAGGATTCCCTCAGTGCAGCAGTGATAAATGAACGATCGTGTGTAAGTTCCT
TCATTCTCTGAAGGAAGCAATAATAGCTATAGGAACATAACCCTCCTTGTTCTTTTGATTAATCCCAACAAGT
ATTTATCGGAGGGCAAGTTTTTCATCGCTGAAGTAGTACTCCACCTGCTTAACAATCCTTTGTTTCAGATCCTCA
GGGAGAACAGCCGCTTTCACCGCGGGTTCGTGACCCTGATCGCGATTCTCCCTGGATCCCTGGTCATGATCGT
CTTCGGATATCAATGATTGAATCTCCGGCACATCGCGACTGGGTGATCCGACGGGATCTTGAGGTGGGGGCG
AGAGGATGGAGTCGGCGACGGGGGAAGAGACTGCGGCGGTGGAGGACGTAGTCGGAGGCTCATCGCCGGC
CATGGTGAGGAGGAGAAAAGCGTTAGGCGGTAAAGAACCTAAAGTACCTTCACGCCCTCCGTTTCTCCT

>trans_s_1954 NM_001051829|Oryza sativa Japonica Group Os01g0931100 (Os01g0931100) mRNA, complete cds

ATAGAACACATTAAGAAAAGAGCCGCACCCGCATGAGGAGGAAGAAGAACTTTGGCTTTGGCTTTGCCTTTG
GCAATTTGCTGCACTAACTCACAAACAACGCCATAGCTTCCAATCTTTATTCCTTTCAAATCCATTTCTACTGG
AGCTCTGTTTCATGAGCCCCACCATGGATCATGGTAACAACAGTCCAAACGAGATTTCTCAACCTCTCATTTCC
ATGGAAGAAATCAAGTCCGATTCCACTCTCACCACCCCCACCGCCTTATCTCGGTGGATTCCGATGTTTTGCT
CCCAAAACCGGCGAAATCCAAGCGTCTTGCGTCGCTTGATATCTTCCGAGGTCTCACCGTTGCGTTGATGATTT
TGTTGATGATGCCGGGGGAGAATGGCCTATGATTGGTCATGCACCATGGTATGGTTGTAATCTTGCGGATTT
TGTGATGCCTTTTTTCTTGTTTCATTGTTGGGATGGCCATTGCACTCGCCCTGAAGGTGGCTATTGCGATGCGCC
AGACAACTGACTTATGGCGTTGATGTGAGAAAGATAAGGTTATTTGGGATTCTCCAGAGAATTGCTCTTGCA
TATTTGGTTGTGGCATTGTGTTGAAGTACTTTCAAGACAAACACAATCCAATGTTCAACCATTTAACCATTTCTCT
ATATTCAAGTCATACTTCTGGAATTGGCTGGTTGCAGCTTGATTCTGTAGTATACTTTGCTCTCCTTTACGGA

ATATATGTTCCGGATTGGCAATTTACTGTCACCGACAGCGATAGTGTATTATTATGGAAGAACTTCACTGTAGC
ATGTGGTGTGAGAGGAAGTCTGATCCTCCATGTAATGCTGTGGGATATATTGACAGAAAAAGTGCTGGGGATC
AATCACTTGTATGCCATCCTGCTTGAGAAGATCTGAAGTGTGTAGATATGGTATTCTTTTTGAATT

>trans_s_1955 NM_001049925 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0575500 (Os01g0575500)
mRNA, complete cds

ATACTTGTGTGGCAACCGTTGGTCGTCGCTCTAGTGCAGTTCTATGCATGGAATATGATGACTCTACGGGAAT
ACTGGCTGCTGGTGGTAGAGATACAGTAGCAAATATCTGGGACATCCGTGCTGGCCGGCAAATGCACAAGCT
TTTAGGTCATACAAAATGGATACGCTCAATAAGAATGGTAGGAGACACCATAGTTACCGGTAGTGATGATTG
GACCGCTAGATTGTGGTCTGTTTCTCGAGGAACATGTGATGCTGTTCTGGCATGCCATGCTGGCCCAATCTTG
GCTGTGCGAGTATTCTGCACTGGATAAAGGAATAATAACTGGTTCAACTGATGGACTTCTCCGTTTTTGGGAAA
ACGAGGATGGGGGTATTAGATGTGTGAAGAATGTCACCATTCACAGTGCTGCCATACTGTCAATCAGTGCTG
GGGAACATTGGTTAGGAATTGGAGCGGCAGATAACTCTATGTCTCTCTCCATCGGCCACAAGAGAGACTCG
GAGGCTTCTTAACACGGGTGCAAAAATGGCTGGGTGGCAGCTGTACAGAACCCACAAAAGACTGCAGCCA
TGGTACGGTGTGCAGCTTCAGACCTCGAAAGGAAACGAATATGCACTGGTGGTCGTAATGGCCTTCTAAGGC
TCTGGGAAGCAACGATCAACATCTGAGGCAACATTATCATTCACTTTCAATTTGCATCATCAATTCATGCGGA
AGTATGATTCAAAGAGTTGGCTAGCTTCACCTAAAAAGTATACTTGGTTGATGTAATATTTAGCGGTGAAAT
GTACAGAAAAGTGAGTGCTCATTACAAGAAGGTGAAGCCAACCTCATGGAATGGAGAAGAAAGTGAATCAA
AGCCCCAATATCAAGTGATTTTCTGTTTGGGGTAATAGCAGATGTGGAATTTTGAATCACCGGCTAACTTGAT
TAAATTAAGGA

>trans_s_1956 XM_002313443 | *Populus trichocarpa* histone deacetylase (HDA905), mRNA

GTTTCTTTCTCTCAATATTCGTTTAGAAAAGTTTTCTACTCTTCTAGTCTGCCCTTCACTTGTGTACTGATTTCAA
GCTTCTGCCATGGCTGGTACACCGCCTCTTCCCTTTCCCATCGAATAGATGTGTTTTGGCACGAGGGGATGCT
CAATCACGACACCGGCTCTGGGGTATTCGACACCGGAGAAGATCCAGGTTTTCTCGACGTCTTGATAAACAT
CCAGAAAACCTCTGACCGGATCAAGAACATGGTTCCATTCTCAAAAGAGGACCTCTCTCTCTTTCATCACTTG
GCATTATGGACGACACGCACTCTCTGAATTGCTTCTTCCACCATCAAGACTATGTAAATGAGCTCGTTG
AAGCTGATAAAAATGGAGGAAAGGTTATGTGTTGTGGAACTTTTTGAATTCGGGTTCTTGGGGTGTCTCACT
TCTTGCTGCTGGTACTACTCTTTCAGCAATGAAGCATGTTCTTGAAGGGCAGGGCAATATTGCTTATGCACTTG
TTAGGCCTCTGGACACCACGCTCAGCCAACCTCGAGCAGATGGCTATTGTTTCTTGAACAATGCTGGTCTTGCT
GTTCAATTTGGCTTTAAATTCTGGCTGTGAGAAAGTTGCTGTTGTGGACATTGATGTTACCATGGAAATGGAA
CTGCTGAAGGATTTACACGTCCAACAAAGTTTTGACTATTTCCATTCAATGGATCATGGTTCCTGGGGTCTCT
CCCACCTCAAAGTGATCCATCGATGAGCTCGGTGAAGGACAGGGTTATGGCTACAATTTGAATATACCTCT
GCCAAATGGAACAGGGAACCGTGGATATGAATATGCCATGAAAACATTAGTTGTCCAGCAATCCAGAAGTT
CGAGCCACACATGATTGTTTTGGTTGTAGGCCAAGATTCAAGTGCTGTAAGTCAGTTCATTTTGTTAC

>trans_s_1957 X79267 | *B. verrucosa* Betv III mRNA for pollen allergen

AAGACGGCTCCCTTAAAAGTCTTCTGTGTATCCATCCTTCCATTTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
AAAACGAAATCAAGTCCCTCTCGGCCTCATCCCCAAATCCTGTTGTTTGTTCGTTTATCCGAAATCTTGAA
ATGGAAGCGGTGGCCTCTGATGTTCCCGACCCGGCTGACGAAGAAACCTCTTCTCGTCTTCGTCGTTGAG
GCTTCGGTGCCCGAGCCTGAACTCCCTTCGCTGCGTCGCATATTTGACATGTTGACAAGAACGGGGACGGG
ATGATAACGCGGAGGAGCTGGGTCAAGCTCTGGGGCTTCTTGGGTTGGATGCTGATGAATCGGAGCTGGA
TTCGACGGTCAACTCCTTCATAAAACCGGGAAATGTGGGTCTTAGGTTTGAAGACTTCGCAGCCCTGCACAG
TCGCTAAATGACACGATTTTTCGGGAATGGTGGAGGATGAGGATGAGAAGAGGGAAACAAGTATGTCGTC

GATGTCGCAGGAAGAATCGGATCTATCGGAGGCATTAGGGTATTCGACGAGGATGGAGATGGCTACATATC
CGCCACCGAACTCCAAGTGGTTCTAAGAAAGCTGAGATTGGCGGAGGGGAATGAGATCGACAGGGTTCAGA
AGATGATTTTGTGCGTTGACCGCAATCAGGATGGCCGGGTTGATTTCTCGAATTCGAAGACATGATGCGCAG
TGTTATCGTCCGGAGTTGTTGATTGCTCGACGCCCCATGTTCTGTTCTGTTTCCACTCTCCAGTCCAAACACC
TCTCTCGGGTCTCTCGTCGATCATGCTCAGCCCCTTTCAAATTTCTATTTCTTTTCTCCTTTGCTTTGCCTT
TTCTATGCAACTCGTCAACCACACCCAATATTCTTCTCCCCTTCAACCATCTATTGTATTATTAATAATCAAT

>trans_s_1958 AJ248334|Medicago sativa subsp. X varia mRNA for Enod93 protein

GGGCGTCGAGTCGATGGTGAGGGTTTAGGTGGCGAAAACGAATTCGATTGGTTAATTTCCAATTAATAAAT
GTTGGGTCGGACGAATTTGCGTGGCAGATAAATTTAAGATGGATTGATGAACCTTTGAATACAATCATCGATT
CGACTTCTCTGAATTTTCCGTTTTGGTTTCTTAATTCTTACTACAAACAATGGGCATCCCATCGGAATTGAGGGA
TTTGTGGGTGCACAGAAGGGATTCTTTGTAATTCCTCGCCGGCTGAAGAGCGGAAAATCGCGAACGCCAA
GCGATGTACTCAAGAAGGTGTTGCTGCTGGTTTCAAGAACGCTTCTATTGCATGTGTTGCCAGTGCAGTACCT
ACGTTGGTTGCTGTTGAGTAGTTCCTTGGGCTAAAGCAAACCTTAATTATACTGCTCAGGCACTCATCATTTT
TGCAGCATCAATAGCTGCCTACTTCATCACTGCTGATAAAACCATCTTAGAATGTGCAAGAAGAACTCTCAAT
TAGAGAATGCCTTGAGACACCAAGGATCATAAATGCACCTTTGAGTGCCTTGCTGCTGGAGGCTGGAGCAGTC
AGTCCTGTTGTTGTATGATGGAAGAAATGGCTCCACAATGTTTAGTTCAGTTTGAGATCTAGTTTCTCACTTG
TTCTACATTTTCTTCCCAATTGCCAATGCCAAAGCCTTGGATTGGCAGGCTGGATGTAAACAAAAAAAAAAAA
AAAGTCACCTTTTATCACTTTCTAGTGCTTAATCTATCCCTTTATTTGGGATATTGGAGTGCAAGTAGGGTTTAT
GCCGCCGTTTACTCTGTTTCCCTTTCATTCTTCTTGAATATTATTTACTTGATATGAAATATCATTTCAAGCTTCC
AGGCTAAATGAAAAATTGTTATCTTCTTGGTTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1959 AY104648|Zea mays PCO124263 mRNA sequence

AATGAAAGCTGAGGTTAAATTTAGGCTGAAAGTTGTCACCAACAATAATTAGTGGAATTTTCCAGAGGGGTTT
TAGAGAAAACGCCGTCTTTTCATAGCATCCGAGCTCGAGGTTTTGGGTCGAACAAGAACCGAAGATCAGAATT
CGAAATCTATTATTGAATCTTTGCGATCCTTCGATTTTCATATCTACTCATGGATGAGTTGAGATCTGCAATGGAG
GAACACATGGACCAAATGTCGGATCTCATTAGAACTTTTCATCCGAATCCGATCCGGTCTCCGTCCCGCTCT
TGATAATTTTCATCGGCTTCTTCCACGCCATTGACTGGAAGGAACCTTGGTTGATGGGGTTATTGGGGTTTCATG
GATTGTTGCTGATAATAACTATCTTTACCAGGAAGCGTACCAACTTCAGATGTTCTTGTTCCTTTTTGCACTGG
CTGGTGATATTTTGTGAAGGAATCAATAAAATCTTGAGCAAAAAGTGAAGAAGTTGCCACCCAAACTA
TTTTGATCCAAATGGAGTTTTCTATCAGCACTCTGGTGTGGGCCACTGCTTGAATTTCAATGATAATCCTGAT
AAACACGCTCTTTACCTTATGCTATCTAGTAGTCAGGTGGAAAAGAGCTGAGCTTCGACATCGCGCAAGACTG
TCACAGAGTAAAGAAGATTGACCTCATCAGATAAGTTTTTAGCTTTGATTTCTTTTGTGGTAGCTTGTAGATC
TGTATCTTTTCTTCACAGAGGTCGTTGGAATTATAGGAATACAATGCTAGGAGCAGTTTTGTTCTTTTTTTA
TTTATTGACTAGAATCTACTTAGATATTGTTGCGATCACTTTATACAACATTCTAGCTTGAATTTTCATCAGTGA
GTAATATTTTCAGTGATTACCGATTTTATCACTGAATGTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1960 NM_114802|Arabidopsis thaliana Got1-like family protein (AT3G49420) mRNA,
complete cds

ATCGTTCTGAATTTTGGCAGTGGCACGTGCCTGCATTGCTCTCCTCCACACCACGCGAACCGCCGCCACCAGC
CGGTCACCTGCAATCCGAACGCCGCCATTTCTGCACGCGAACCGCGCCGCCATCTCTCCCTCAATCTGCTT
CAAGTGAAGGCAGGGAGGTGAAATAATAGTTTTCGGCAGATATGGTTTCTTCGAAATGAATGACCGCAAGA
AGATTGGGCTAGGACTTACAGGATTTGGGGTATTTTCTCATTCTCGGAATTGTCTTCTTTGACAAGGGA
TTACTTGCTATGGGAAATATCCTGTTCTTCTCAGGAGTAACTCTCACCATTGGACTCAAGTCAACCATGCAATTC

TTTATGAAACGTCAAAATTTTAAGGGAACAATTTCTTTTGGTTTAGGGTTCTTCTTTGTTATCATAGGATGGCCA
ATCTTTGGCATGATATTGGAAGCATATGGTTTCGTTGTCCTTTTCAGTGGCTTCTGGCCAACTTTGGCAGTCTTT
CTTCAGAAAATTCCTGTTCTTGATGGTTATTTTACGCAACCATATGTCAGATCGTTCTTCGACAACTATCGGGG
TAGACGTGTACCTGTTTGAGCCAGGGATGTTATAAAATTGGTTTGAGGTGAACTTGTAAGTTGTAAACCACT
CTTGCTTGGAAGACCCAGTCTTTTGTTCAGATGGGGAGAGTAGATAACACTTCGTTGGCCGTTGATAATGATG
AGAATGAGATTGCTTTGTTATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAATAAAGGAAAAAGAAA
AGAAAGAAAGAAAGAATTAACAAACAAACAAACAAACACAAACTCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTGGT
TTTTGATAATTCATTTGTGTAAAAAGTACTCGTGACGTGTAGCTGAAGATTCTATAGTTTTTAATTT

>trans_s_1961 NM_105961|Arabidopsis thaliana VPS46.2 (VPS46.2) mRNA, complete cds

TTTCAAATCAAATCCCCAAATCATTTCTTCCCAGCCCTAGCGTCTTTCGTCGGTTCCCTTCATCAAATTCACC
GCATTTTGGGAATTTTCCGACCATGGGGAATACCGAGAAATTGTTGAATCAAATAATGGAATTGAAGTTCACT
TCCAAGTCGTTGCAGCGCCAAGCCAGGAAGTGCGAGAAGGAAGAGAAATCCGAGAAGCTTAAGATCAAGAA
GGCTATGGAGAAGGGCAACGTTGATGGAGCCCGAATTTACGCGGAGAACGCGATCCGTAAACGAACAGAAC
AGATGAACTATCTCCGTCTTTCTTCGAGGCTTGATGCTGTTGTTGCTCGCCTCGACACACAGGCCAAGATGACC
ACGATTAATAAGTCCATGGCGTCGATCGTCAAGTCCTTGAATCTACTTTGGCGACTGGGAATTTGCAGAAGA
TGTCCGAGACTATGGACCAGTTTGAGAAGCAATTTGTGAATATGGAGGTTCAGGCGGAGTTCATGGAAAATG
CAATGGCTGGATCTACGTCCCTTTCGACTCCGGAAGGAGAAAGTCAACAGCTTGATGCAGCAGGTAGCAGATG
ATTACGGTCTGGAAGTCTCCGTCCGGCTACCTCAGCCGGCGTCACATGCAGTACCAACGAAGGAAACCGAGA
AAGTTGACGAGGACGACTTAACGAGGCGCCTTGACAGAGCTTAAGGCCAGAGGTTAACAGTACGGCACGAAT
ATAACATCTTATTACTGTGTGATATATATCAAATTTACGAATTTAGCAATTATGCATGAGACATTGTGCTTGCTA
TGAATATTCGAAGGATGTTACTTTTATGTCTATACTCAAATGAATTCATTTCAATGGTAATTTCTTGCTGTGC
ATTTTCTTTATGTTTTCTGAGTATTTGAACATGGGGCTGGGGTTCGATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_1962 AB052133|Triticum aestivum tck2a mRNA for casein kinase II alpha, complete cds

AATAGGAAAGCCAAAGTATATGCGTCAAACTGCAACAATAATGCGCTCTCTGTACGACCTCTCCATTAGCC
ACTTGACTCACCCGTCCCGCTCTTTTTCTTCTTCTCTTCTCTCTCTCAGTTTACACTTGCGAAGCTCAAGTCTT
CTTCCATGGCCTACTGCTCAGCCACATGAACCATGCCCCCTCCGCCTTCTCTTAGTCTCCGCCGTCTTTTCTCTC
CTTCTGTCTCCCACTCTCCGACCTTACGCTCCCTCCCTTCCACCTTCTTTCGACGCTAGCTTCTTCAGCTCTGC
TGTTGGTGTTGTTACGGTGATAAGATCACACCGATCGGATTGTTGGGCTCTAACTACCCAGTCATGTCTAAA
GCCCCGTGTTTATGCAGATGTCAATGTTCTGCGCCCCAAGGAGTATTGGGATTACGAATCTCTTGCTGTTCAATG
GGGTGATCAAGACGATTATGAGGTTGTCCGAAAGTTGGAAGAGGAAAATATAGCGAGGTATTCGAGGGGAA
TAAATGTTAATAACAACGAGCGGTGCATAATCAAAATCCTTAAGCCTGTGAAGAAGAAGAAGATAAAGAGAG
AGATGAAAATACTTCAGAATCTCTGTGGGGGTCCAAATATTGTCAAGCTTTACGACATTGTTAGAGATCAACA
TTCAAAAACACCGAGTTTGATTTTTGAGTATGTGAACAGCACAGATTTCAAAGTACTTTATCCAACACTGACTG
ATTATGATATACGCTACTACATATATGAACTCTTGAAGGCATTGGATTATTGCCATTCTCAAGGGATAATGCAC
AGGGATGTTAAACCCCAAATGTTATGATTGACCATGAGTTGAGAAAACCTCGCTTGAATGACTGGGGCCTTG
CTGAATTTTATCATCCTGGCAAGGATATAAATGTCGTGTAGCATCAAGATACTTTAAAGGCCCTGA

>trans_s_1963 AY110078|Zea mays CL35146_1 mRNA sequence

CACCCATTACCTGATACTTCTAATTCCGCCGAATCTGGGGACAGCATTCACTTTGTAAGTGTCTTTACCATATA
TAATGCTTCACAGGATTCCAAAGTGATTGGGAGATCAACTGACGTTGTAAAAGTTGGGGATGCTTCATATAGT
AAGGTGGAGAGGTCGATGGCTGTTTTGAATGTCTTCATCGATTTCAATCAGGTTTCAATGCCCCAGAGTAATG

TAGTGATTTTAACTGATCCAGCTTCAGATCTACCAGTACGTAGAAATAGAGTAGCTGTGTTTCCAATACAGGGT
GAATATTCACGAGACACATTGATGCTTCAAAGAATCAGGTCTTACATTAGCTTTCTAGATGCAAACTTGATGA
GCAACGACAGGGTACAAGGCATATCAATCATTACATCTTCACAGACTCGGATATGGCAGTGGTTGGTGATTTA
GGAGAAATTTTCGTAAGCATCCGAAGTTCCATTTGGCTCTCACTTTCAGAAATAACAAAGCACAGCCTCTGAA
TTCAGGGTTTATAGCTGTAAGAGGTACTGAAGATGGAATTCTAAGGGCCAAGGCTTTACTCGAAGAAGTACT
GAAGATTTACAGTTCAAAATTCATGAAAGCATCACGAATGCTTGGAGATCAATTAGCTCTTGCATGGGTTGTA
AAGTCAAAATCCCTCATTTTGATGCAAGGAAATTCAGCAAACCAGAAACATTTGTTGAAGAAATCAACGGTGCTT
CAGTACTTTTCTTACCATGCGCCTTGACAATTGGACACCACCAGAGGGCGCAGGTCAATTCCACGGCATGCC
TTGAAAGGCAAGGGTGGTCATTTCAAAGGATCAAGGAAACGCCTAATGCTGGAAACCTGGAACCTCTTTTCGAT
CCTCTTCAGCATCTCAGACATGCTGTGCCTTATTCTTAGTAGTGGACGAACAAAGTATGATTTCTAAACTG

>trans_s_1964 GQ256648|Jatropha curcas Dof3 protein mRNA, complete cds

CTGGCATTCTATGCCGTTCTATCCGACCGCCCCATTTTGGGGTTGTACGGTTCCTGGCGCCTGGCCCATTCCA
TGGGTTTCCCAGCCGCCACCTCTAAGCCCTGTTGCCCAAATCACGCTCCCAACTCTCCAACGTTGGGGAAACA
TTCAAGAGATGAGAATGTGACCAAGCAAAGTGATTTTGGGGAACACGAGCAGCAGGAAGATAACAAAACCTG
AGAAATGTCTTTGGATACCGAAAACATTGAGGATAGATGACCCTGGCGAAGCAGCTAAAAGCTCCATATGGG
CAACTCTAGGAATCAAGAATGACAAGACTGATTCAGTTAGTGAAGGGCTCTTCAAGGCTTTTCAATCAAAAA
GATTGACGAAAAGAATCACAAAACCGAAGCCTCTCCAGTCTTGCAAGTCAATCCAGCTGCATTGTCCAGATCA
ATCAAATTTACGAAAGCTCGTGAAAGGATACAACGATGCTTTTCCCAAATGTGCCATCAAAGCTTTTCACTG
CACCCCATCTGGATAGTAAAAGCTTTAAACCAACTTACAACCTGCTACAAGTTGATCCTTCTGTTTTAAATCTCTA
TAAACCATCAGATCCATCCAAGGAAAAGAACGGTAGATCACACAGCAGTTACCTTCTAGAAGAAAAGCCCTCG
AGTTTCGGTAGCGGGAAGACGAAAATGACTTTGATTTTATTGTGTACTTGTAGTGTGAAGAAGTAGATGGC
ATTTTGTGTGTAGTTTGAAGTTTGTCTTCTGAATCATGATGTACATATACATATATATATAAAAAATATG
GGATCCAGGAAGAGAGAGTGTAGTACAGGAATGAGTGAGGTGAAGTAGCAGTACCAATAATAACTAAAATGT
GTACTTAAATAAACTTTTCAGAAATAAAAAAGAAAAATTGATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_1965 AF370538|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g26340) mRNA, complete cds

CACAAACGCCATTCTCCCTGGCTGACTGAGAGAGGGAAAAAGGTTCGGCCGAATGTTCTATCGTCAATGGCG
ACATCCACCACTCTCCGCTAATTAGCTCGGAGCAGTTCAAATTCTCCGCCTCCATTCTCCGCCTCTGCCGCTG
AGATTCACCGCCGCCAATAATAAGAATCACTGCCGAGTGAGGTGCGCACTGTCTCGAACAATTGGCGGGAG
AGTAGGCGACTGTTCTCCATTTCTCTCGTCCTCTCAAATTTGTTCTGATTCTGACCGTGCTTCTGCTGGAAGC
TTTCTGGACAAATACGTGAAGAAGAAAAAGCTGGATCCGCTTGAAGTTTATGTTCTGCCGTCATATTGACCA
AGTTACAAATCGAAGACGTGCGGAAAATTTTGAAGGTAGTAAACCAGAATATGCGACATGCCGATCTCTCTT
GCGTTCTGGACTTGCATCATCTCTTCGCGTAAATATTGAGCAGTCGCACAATATGCATCAGAGGATGGAAAT
GGAAACATTGCGTTGACAACGTTGACCGATGTCTCAGAGCTCTGGAAGAACTTGATTCTTCGCTTTTACGTGC
TACAAGAAATGATCAAGGAACCTCAATTGAGTCAATGAAGACCAACATTGACACTGCCGTTCTTGCTCTAGAC
AGGCTCCCTCAAACGTTCCTGCTGATGTGTTAGCTAAAGGGAAGGCCATTGCTGATGCTTATATCTCTCCAGA
AGTGGAGGAAACCGAAATTGAAGACCCACAACCTGAAGCAGTTGGAATCGATTTTATAACATTTACTTCATATC
CTCAAACCTCAACACGATCAATTTTCTTTAATGTGAGTATGCTTTAATGAAATGAGATGTGTTTATAACAGGAA
TATATATAGATATATATTTACGTATATTTACACCGTTAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1966 NM_001059905|Oryza sativa Japonica Group Os04g0527800 (Os04g0527800)
mRNA, complete cds

TGGTTGAAGGCGATAAAGCCCAGAAGGGAGGAAGGAGCTTCATCACCAGCTTCCTCTCTCCTTCAACAATGGC
TTCCCTCACTTCCTCTTATTGCTGTTCTACACTTCCCAATTGCTTCACCGCCCCAATTCTCCATTTCCAAAAT
TTCCTTCTTCTACTTTCTCTCCATTACCGTCTCGAACCGCTCAACACTTCTCTTAGCAGCGGGCGAAGAAGAAGG
ACTCCGATTCAAGTTCCTGCTGTCAAAAGGAATCTAAAAATTCCAAGAGTAATACAGTTGGAGACGAGGACGA
ATTCGTGGAAGTGAAGAGGAGTTGCCTTGGTATCAGGAGAAGGCCTTGGACCTTGTGGAGTTCTCTGGCTC
TGTTACTCAGGCAATTCCTGGCCCTAGGGTTGGCCAGAGCTCGTTGCCTTGATTCTTGCTGTTCTCTTGCTTA
TTTAGGAGTTACTTTTGTTATCGCCTTCGTTAAGACTGTTGCGAAATTCAATTCCCCTAAAGAAAAACGCCGGA
GACAGGTCACAAAAAATGCCATTCTCTGCAAATCAGTAGATGAGCTGCTTGAGAAAGGAAGGGATGAAGTAA
AACCTGAGGCTCTTGCTGAAATCGTGCAGAAGACAGGTTTCAGTGTGGATGAAATTCTGCGGAAGTACATCC
GTTATGCACTGAATGAAAAACCATCAACCCTGAATTGGTTGCCAACCTGATTAGCTAAGAAAAGCTTCTGCA
TTGGAGGATACTCAGGTTGCTCAAGTTCTGAATGAGGTATCAAGGAGGATTGAGAGAGATAAAGGTCCAGTT
GTTATGAATATGTCAGGGTATACCCGAGAAGGGTTTCAAGAGAAAAGCTGTGCAAGCCCTTTTTTTGCAA
AATCTTCTACCTGTCTGAACTGCCGGAATCTGTTCAAAAGATAACTCTTGAGTGGGAAAAAAATATTT

>trans_s_1967 BT003147|Arabidopsis thaliana At1g36050 mRNA, complete cds

ATTTGATTGACCAGTGCAAAAGAGAAGGGTTTCTTCAACGGATCAAAGATGAGGATGGTGAAGGATGCAATA
TATACGGGTTTTTGGAGGTTAATAAGGTTGCTGGAAATTTCCACTTCGCACCTGGGAAAAGTTTTCAACAGTCA
AATGTTTCATGTTACGATCTGTTGGCTTTCCAAAAGGATAGCTTCAATATAAGTCACAAGATTAACAGATTAGC
TTTTGGAGAATATTTCCCTGGCGTAGTGAATCCTCTGGATGGCGTGCAATGGGAACAAGAAACACCAAGTGCA
ACATACCAGTATTTTATCAAGGTTGTACCTACTGTTTACAAGGACGTTAGTGGGAATACCATCCAGTCGAACCA
GTTCTCTGTACAGAACACGTAAGGACTGCGGAAGTTGGTCGACTTCAGTCACTTCCTGCAGTTTTCTTCTTCT
ACGATCTTTCTCCTATCAAGGTCACATTCACTGAGGGGCATGTGTCATTCTCCACTTCTTGACAAATGTATGC
GCTATAGTTGGAGGCATCTTACCGTCTCAGGAATATTAGATTCATTCATATACCATGGTCAGAAAGTGATCAA
GAAGAAGATGGAGATTGGTAAGTTCAGCTGATAGACGACATATTTATTCGAGTTGTTGACGTTACAGAACCTG
GCAACAATTTCCATCTCTGATGATGAATGATCAAATCAAGAGAATCAGAACGGTTAGTTCGTTGTATTAGATTA
TGTTTGAATTTGTTGCCATGATTTTACTCGGTTGAGAAGTAGCTGAGCTCCCCAGCTCTGTTTCATATTTAAA
ACCATTTGTTTACTTCTTTTTTTTTGTTTAACTGTTGTCGTAAATGTGAATATCCACATGAAAGAGGTAAAGACA
GGATTCTCATTATTTATTAGATCCCAATTTTTGACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1968 BT004796|Arabidopsis thaliana At1g51160 gene, complete cds

GACTCCGAGAGATCGATTTGCTTACACCGTTCACAAACGACGTTGTTCACTCTGTCCTTGTGCGAGGGGTCTC
CGGTGCCGTAAGGCTCCGATCTGCTGACGTTGTTGTGCGCCGGCAATCATTGCCTGACGAATCAAGAGCTTCGT
CGTTGAATTGATCGCTTCCTTTACTTTGCAGTCTCTGCTCTTTGAGAAACCATGCAGTTCTTTGGTGGGTCAGAA
ATTAGTCCCTCGCCTCCGGTACCGACAGCGACTGGAACAATGTGCATATGATGTATATTTTCAATAGGAATG
GAGTTTGCTTGTTCTACAGGGAGTGGAATCGGCCTCTCCGGACATTGAATCCCCAGCAAGACCATAAACTTAT
GTTTGGTTTGCTCTTCTCCCTTAAATCCTTTACTGCCAAGATGGACCCAACCAAGTGTGATAAAGGAAATCTTG
GGGTGCCTCAATTACCTGGCCAAGGTTGTTCAATTCACAGCTTTCGTAATACTACAAGCTCAGTTTTACTG
AAACTCCATCAGGGATAAAGATTATCCTGGTTACCCATCCTAGAACCGGTGATCTGAGGGACCCATTGAAGTA
CATCTACAACCTGTATGTTGAATATGTAGTGAAAAATCCACTCTACAGTCCAGGAACTCCAATCAGGTGTGAGC
TATTCATACAAGTCTTGACCAATATGTAAGAAGTATATTGTAGAAATCAGAGGTAGCGACTACTCTGCCGATT
TAGTTTCATTCAATTTGTATGCTTTGTCTATCTTTATCTATGAATGAATGTGATTCACTGGATAATGGTGCAGT
TGCAGGCAATTAATGCTACATGGGAGTTTCTATTTGTTTTCTATTGGTTTGACTGTAGACAGTGCAACGGT
ATGAAATATTCTAGCTAATCTTTTACCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1969 AB056449|Vigna unguiculata CPRD47 mRNA, complete cds

>trans_s_1970 NM_202556|Arabidopsis thaliana vacuolar protein sorting 55 family protein / VPS55 family protein (AT3G11530) mRNA, complete cds

>trans s 1971 AF419551|Arabidopsis thaliana At1g67280/F1N21 10 mRNA, complete cds

GAAGAAGCTATTCGAATCTCTCGCCATTGCTTCTTCTTCTCTCTGATTACGAAGGCTCATAATCGCTTCAAA
TTTCTTGGAGATTTGGTGAAGATAAGAAGATTGCAAATTGAGTTTGAAGAAATCTGTTGGCCACGAGTTCTTC
TGTTTCTCATTCTGAATTGAGACCAAAGTGACGGAACGAAGTGATGGTGAGGATATTGCCGATGCCTTCCTCC
TTACGACCTTCCATTTTCATCTTTACCTTTGCTGCCGCTTCTCGTTTGCCTCATTCCCTCACTTCTACACCCCGAC
TCGGTCGCTGCCTTCATTTCTTTTCGGTTTTGCTGTTCCACAGGCACAATTCTTTGGTTAAACTCTTGAAGTT
GTTGAAGAAGTGTAATAACACCATGAGGGTGACCGTCAATGGATATGCAGCACAGGCTTGCACAACAGCCAG
TCCTGAAAATATTCTTGAGTGGGTAAAAAAGGATAAGAGGAGATTGCTTCATGTTGTCTATCGTGTGGAGAT
TTGGAGAGGACCATAAAATTCTATACTGAGTGCCTGGGGATGAAGCTGCTGCGAAAACGTGACATACCAGAG
GAGAGATATACAAATGCTTTTCTTGATACGGTCCCGAAGAGGCTCACTTTGTTATTGAACTTACTTACAATTA
TGGAGTTGACAAGTATGATATTGGGACTGGGTTTGGGCATTTTGGTGTTCAGTTGAAGATGTTTCAGGACT
GTGGAACCTATAAAAGCCAAGGGAGGAAAAGTTACCAGGGAACCTGGTCCTGTAAAGGCGGCAATACTGTG
ATTGCATTCATTGAAGACCCAGATGGTTATAAATTTGAACTCTTGAAAGGGGGCCTACTCCTGAGCCTTTATG
TCAAGTAATGCTTCGTGTTGGTGATCTTGATCGGTCCAATAAATTTACGAGGAGGCTTTTGGCATGGA

>trans_s_1972 XM_002878026|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alpha-soluble nsf attachment protein (ALPHA-SNAP2), mRNA

ACCCCAAGTTTGTGTTTGAAGATTACATGAAGCTGCTCAAGCATCTGTTGATGCTGCCAATGCCTATAAGAAG
ACGTCTATTAAGGAGGCTATTTTCATGCATGGAGGTGGCAGTAAATCTATTTTGTGATATTGGAAGGCTCAGTA
TGGCTGCAAGATATTTGAAGGAAATTGCTGAACTATATGAGTCTGAGCAGAACATCGAAATGTCTATGAGTTA
TTATGAGAAAGCTGCTGACTTTTTCCAAAATGAGGAAGTAACGACATCTGCGAACCAAGTGCAAGCAGAAAGT
GGCACAGTTTGTGCTCAATTAGAAGAGTACGATAAGGCAATTAATATATGAAGAGATTGCTCGACATTCA
CTGAAAAATAACTTACTAAAAATATGGAGTCAAAGGACATCTTCTTAATGCTGGCTTATGTCAACTCTGCAAAGG
TGATATTGTAGCCATCACCAAAGCATTGAAGGAATATCAGGAGTTAGATCCAACCTTTTTCTGGCACACGTGAA
TATAGACTTTTAGCTGATATTGCTAGTGCAATAGATGAAGAAGACGTTGCAAAGTTTACTGACGTGGTTAAGG
AGTTTGATAGCATGACCCCTCTGGACCCATGGAAGACAACCTTTGCTGTTAAGAGAGAAGGAAAAGCTTAAAG
CCAAGGAGTTGGAGGAGGATGACCTTACCTAAATTTCTCTATAATAAAATGTTTTGTTGGGTCTCTGTTTGTG
ATTGTTGAACTATATATGATGAGATTTATGTAAATTTTCACCACATTTGTAATATCTGTGATTCTAGAAAACATT
ACCTGGATTGGGCTTCAATCAGTTTGCTTACACGAGTTTGTGAAGTTTGCCTATTTGAAACAATGCTTTCGTTT
GGCTTTGCTTGAACATAAGTTTGAGACAATTGAAGATTACTTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_1973 AF133127|Hevea brasiliensis thioredoxin h mRNA, complete cds

AATAAAAAGAACGACAACGAAGTGCACCAAAAATGGGTGAGAGTGATGCAATATGAAAGATCTTCTGCCAC
TGTTACTATTTCCAGGTTTGCATGTGAAGTTGGTGAAGAATCAAATCAAATCAAAATCAAAATCAAATCAAACA
ATTTGGATAAGATAAAATCAAGAAGTGGGGTCCGATTCTAGCTAATTTTATAGCAATCCTTTATTTTCGTCTAA
TCGATGGTGCAAAAATTTGGATTACAACGCAATTCCTACTATCAATCGCTGAAGAACTCGGTAAGACTCTGAG
TGGCTAAAGTGGAGATGGAGGGACAAGATCAGTGGCGACGGACTAGGGTTGTTAAGATTGAATCTATGGAA
TCGTGGAATTTCTACTTGACTAAAGCCATTCAACAAGATTCTCTTATTGTTGTGCACTTCACTGCTTCTTGTGT
ATGCCTTCGGTTGCCATGAATCCATTTTTGAAGAACTGGCATTAACTACCCGGATGTTCTGTTCTCACTGTC
GATGTTGATGAGGTTAAGGAAGTGGCTGCTAACTGGAGATAAAGGCAATGCCAATTTCTTGATGATGAAA
AATGGTACTCAGATTGACAAGCTTGTGGGTGCAATCCAGAAGAGATAAGGAAAAGGATAGGGGCATATACT
GAGACTGTACATGTTGCATAATGTAATGTCCTTATGGTTGGTTTAGTGGTGATGGTATATTGGTCTTGTAATA
TATGGCTGTGGTTTTTGCATCAGATGGAGACAAGGTGTTGGTCTGGCTTTTGTATGTGGTTTTAGCCCTCA
TCATGTACATACAAGTTTTTGAAGTGTGCTCTGTTTAATTAGAACTACCATCATGTTATTATCCTGAACTT
GTGAAATTTAAAGAAAGGGTTCTGGGTTTTGTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1974 NM_121325|Arabidopsis thaliana JAZ10 (JASMONATE-ZIM-DOMAIN PROTEIN 10)
(JAZ10) mRNA, complete cds

CTCTTTAAATTTCTTTTTCCCCAAACCAAAAAAATTATTCAATTCCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCC
TCAATCCTTACTCTCCTCCATTCCCGCCATGGCTAGGGCAACTGTTGAGCTTGATTCTTCGGTCTCGAGAAGG
AGGCTTCTCCAAGTCTCAGTTTCACTCTCTCCTTACCGCAAGAGAAGTTTTCGAGGCATTACAGCGCCATTT
CCAAGATCGATCCTCAGTACTCAAATCTGTCATCGGCTCTGCCTCCTCCATTTCTCAGCCTCCTACTCCAAAG
CTGCTGCTAACCACAACGTTCTCTCGCCTTTCCTCTCTATACACCTATCTTCAAGCCGACCGGTTCTGAATTGC
TTCAACATACATCTCAGATGACTATCTTTATAACGGAAGTGTGCGCGTTTTTGACGTTCTCGTGATAAGGCTG
AGAACATTCTGAACTTGTGCGGAAGGAAAAGCGGAAGCCAATCTACGTTGCAATCCATCCACCGACCA
CCAGCAACAGTTGCTTGCATCTCTTGATGGAGATCTTCCAATCGCAAGGAAGAAGTCGCTTCAAAGATTCTTA
GAGAAGCGTAAGGAGAGGTTGACTACGGCTTACCATATGCATTCCCCTGCCCCACCTAACTTAGATGGAGA
AGATCAAATCAACATTACGCGTTTTCTCTGACACAGATAAATCTCTCTTTGCTTTTAGTTAAGAAAAATATTCA

AAAGGACATATATAAATATATAGATATATATGATCTTATTTTTATGCCCTGGAGGTTATGGTAGCACCTTCCTT
TTGGACTTTCCTTTGTATAGCCATAGAAGGCCCATAGGCCACATAATGTTATAGCACTTAGTAGTGGTATTGG
GGGTAGCGAGTTCGACTTTGGTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1975 EU373003|Gossypium hirsutum gland development related protein 10-like mRNA,
partial sequence

TTGTGGCAAGACGCACATAGTTGGTGCTGCTGCTGCTGCTTGTTCATTGCGATTCATATCAGTCAAAGGGCCT
GAACTTTTAAACAAATACGTTGGTGCTTCTGAGCAAGCTGTTCTGGGATATTTCTCTAAAGCAACTGCAGCATC
ACCTTGCACTCTTTCTTTGATGAGTTTGATTCAATTGCTCCAAAGAGAGGGCAGGATAATACTGGAGTGACTG
ATCGTGTAGTCAATCAATTTCTAACTGAATTGGATGGTGTGAAGTTTTAACCGGTGATTTGTTTTGCTGCA
ACGAGTAGACCAGATTTGCTTGATGCCGCACTTCTAAGACCTGGCAGATTGGATCGCCTTCTGTTTTGTGATT
CCCCTCTCCAGTGGAACGGCTAAATATTCTTCAAGTTCTTTCAACAAAGCTGCCATTGGCCAATGATGTAGATT
TGGAGCCAATCGCTTATATGACAGAAGGATTCAGTGGAGCTGACCTTCAAGCTCTACTCTCAGATGCTCAACT
GCGGCAGTTCACGAGCATCTAGATAGTGTAATGCTAATGACCCGGCTCAAAGCCTATCATTTCTAATGCTCT
TTTGAAGGAACTGCAGGCAAAGCACGACCATCAGTTTCAGAGACTGAGAAGCAAAGACTGTACGGCATTTA
CAGACAGTTCCTCGATGCCAAAAATCTGTCTCTGCTCAGACTAGGGATGCAAAGGGCAAGAGGGGCAACTCT
AGCTTAAGGACCACCAGCTGCTTACCTTCTGTTTTCTACGAGTTTATCCATTGTTGCTGTACAACACAATTGTT
TCAAATAAGTTTAGATGTTAGGTTACACATAGGGAAAGGTCTGAATTGATTTGTTACACAATAAATGAATCT
TGTGTTGCCGATATACTTTTACTGATAGGTCGAAATGAAAATAACTCATTTTCTAAAAGTGAATGAAA

>trans_s_1976 M72892|Solanum tuberosum spliceosomal protein (U2B) mRNA, complete cds

ACATTCGGAAAACCACATTTCTGTCCATTACTCCCTGATTCTCTGTAATCCGAAGGCCCTGAACCCTAACAACCA
TGTTGTCGGGGGATATACCGCCTAACCAGACCATATACATCAAGAATCTCAACGAGAAGGTCAAGAAAGAAG
AATTGAAGAGATCCCTGTATGCTTTGTTTTCTCAATATGGAAGAATCCTTGATGTCGTTGCCTTGAAGACACCG
AGGCTTCGAGGGCAAGCATGGGTTGCCTTAGTGAAGTGACTGCAGCTAGCAATGCTGTGCGGCAGATGCAA
AATTTCCATTCTATGAAAAACCTATGCGAATTCAATATGCCAAAACCAAATCAGATTGTGTTGCTAAAGCTGA
TGGAACCTTTGTGCCAAGGGAGAAGAAAAAGAAGCAAGAGGAAAAAGCTGAAAAAAGCGGCGTGCTGAA
GAAGCACACCAATCTGCGATGCCAATGGAACAACACTACTGAGAATGGAGGTTCAAATGCCACATTCCGTCATG
CAAATCCGAGTGCTACAGAAGCTACTCCAACAACATACTATTTATTGAGAATTTGCCCCATGAAACCTCTAGT
ATGATGTTGCAAGTTCTCTTCCAACAATATCCTGGATTGAGGGAAGTCCGGATGATTGAAGCAAAGCCGGGTA
TTGCTTTCGTTGAGTTTGAAGATGATGTTCAATCCTCTATGGCGATGCAGGCTCTTCAAGGCTTTAAATTGAC
CCCCAACATCCCATGGCTATCTCTTCGAAAGAAGTAACTCAACCTTTGTTCTACTGTTACTAGTTTGAATGT
GTAGCAGGTTTATGTTAATGTCACCGCACATAACATGAGTCGTGGGGTTTTACGTAAAGTTCAGATATCCCTT
CCCCTCCTTCAAAGAGAAAGAAAGAAGGAAAACATTGGGGAGGTAGCCCACTGGAAAAAAGGGACTTAAT

>trans_s_1977 XM_002323733|Populus trichocarpa kip-related cyclin-dependent kinase inhibitor 1
(KRP-1), mRNA

CGTTCGCACTCGTGCCAAAACCCTAGCTCTTCAGCGCCTTCAGAAGACCTCCAATTCTCCCCCTCTTCCCCTTC
TCCCACCACCTCCGTTTCTATCTCCAGCTCCGCAGTCGCCGCTTCACAAACCCTCCAGTACTGCTCTTCCGAA
GCAGAAATTGCCCCAGGGGACTACTAATGCTCGTGGCCGAAGAGTCTCTGCTGATTCCAGAGGAACCACTAG
GTTGGGGGTTTGCTCCGTTGCTGCTGGTTCTATTGAGCCTGTCTCGCCTCGCGGGGATGATGCGGTTCAAGAA
TTGGTGTTAAACAGAGTGAGGTTTCAGGAAAATTTGAATGTTTCATGACATTCAGGAAGAAGCTTCGTTTGGTG
AGAATCTTTTGATTTTGAAGGTGGAATGAGTAGGGAATCAACTCCTTGCAGTTTGATAAGGAAGCCCGAGA
GCATACGAACACCCAGTTCTTCTACAAAGGCATCGAGTACCACCGATGATAGGATACAGCTGCAGAACTCCTC

TGCAACAGATGTACCAACCACTCGGGAAGTTGACGATTTCTTCAACTGCGCCGAAGGAGAGCAGCAGAGAAA
ATTCATTGAGAAGTATAACTTTGACCCGATCACAGACAAGCCACTTCCCGGACGTTACGAATGGGAGAAATTG
GATGATTAGTCAATTAACGACGTTCAATATATCAGGACCTATGTTTCTCAATGTACTCAGGTTATGTTGT
GCTTATAATTGGGAGATAGTCAGATCATCTTAGTTTCTGTACCCTTTTACTTGTAAGAAGTAGGGCTGTACT
AATGGTCTGTAAACATAACAAGAATTTGAATTACACAGCAAATAGAACTCAAAGCCTTCTGTCTAACAGATTGG
TCTTGGGAAGGAAGGGAAGAGGCTAGAGGCAGGGTGTGTATGGGTGGTGGTAGGATTTAGGCTTTTGGGT

>trans_s_1978 NM_001051808|Oryza sativa Japonica Group Os01g0928100 (Os01g0928100)
mRNA, complete cds

ACTTTTCACATCTTACCATTTCTTGTTCTCACTTTATGCTCTCAGACCTTTCTTCCCTTTCTTCCCAATCTCACTTTA
GGGTTTAGGGTCTGAACCACCACCGTCGAGTCATCCACCATCATGCCTTCGTTTAATGTTTGATCTTATATGTTG
TTTAATCTCATCATCGCCCGCCACCTCACTCGAATCGCTTCATTCCCTGCCATTAAGATCTTGATTTTGATTCTCC
AAAACAGGTTAAAACATGGAGAAAGGAGAGCTTAAAGTGAACTCAATTTGCTGCAGGCAAGGTGTTTGAA
GAATGTCACAATGATATATAAAATATGTAAAGCTAAGTGATTGAGAAGCAACTTAACGTCTTCATCCATAGAG
ACAACGACTTTAATTCTTTTTATTGTCTCTGTTTTGCCATTGTTGAGGTTTACTGAGTTTCAGATGGAAGGTTTA
CTGAGCTTGGTAGCAACCTTGAGATTACTACCCATTGTAATAGTATTAAGGTAGAAGATCTATTTTCATTTTCAC
TATGGCAATAGAAACGTTGAAGATCTACAAGTTGCTGCTTTGGGAGAAGGTGTTTCTTTATAAGCCAACTTTT
GAGCAGGAAGTTGCATTACTTTAGAGAGAGGTATATTTACAGCATCAGATGCGTAAGAATTATGATTGTGAAC
ATAGAGAAGAATGATTGAAGTCATATCAGATTGAAAGCTACGTGATTGTATAGATAGCCAACTATCGTTGAA
GATTGAGAAGGTGTTAAGGATTTCTTATATAAGTCATTAAGATCTTGTTTCATGTACTGTTGTAGAATGTATAT
ATAAATCCAATATTGAAATTTCAATTTGTGTATATAAATGTAAAAGACAAATATTATTGTTTCTAAATAATATT
AATTTTATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1979 AM231527|Fagus sylvatica mRNA for protein tyrosine phosphatase (ptp1 gene)

AAGCGCACTCATCGATTCAAATTCCCAACGAAATCCAGTTTATCGGATTCGGAACCATTACCAAACCTTACATTT
TTTTCTCCATCCTTCATCCCTCTTCCGCCTTACAAGTCAGACCGCTGGGGAACCTCACTTCCACACGTTCCCGG
AGCCATCATCGCCGGCATCCCATGGCCGCCGCCACCTCTTCATCCTCCTCCAACACTTCTATTTTCTCCCCCGAT
TCTCCCCCACACTTGCTCTCAAACCCCATCAGATTAAGCTTTGTTCCAAGCTCTTGAGGCCTTCACGGACAAG
CTCCAGAAGCCTGATGTCATCAACCAGGAGTTTCGCTCGATTGCAGGCCAAGAGAATAACTGCATCTGATATGA
GGAGAAGTTGCTCTGTGGCACTTGACAACGTCAACGTAAATAAAAATCGTTACATGGATGTATTACCTTTGA
TGAGACTAGAGTTGTACTTGACTCATGTAAGGATTACAGACCTTCTGTAAGGGGTTATATCAATGCTAGCTTTA
TTTCGACTTCTCCTCAAAAAGCCTTTCTAAGTTTATTGCCACACAAGGTCCGTTACCACACACTTATGAGGATT
TCTGGGAGATGGTATTTCAGTATAAATGCCCTGCAATCTTGATGCTTACTCGTCTTGTTGATAATTACAAGATG
GTAAAGTGTGGAGATTATTTTCAGGCAGAAGATGGTCCTAGAGATTTTGTAATCTAATTGTTGTCTCTAAATG
GATAAAATCTTCCAACCTCTCTTATATTGCGCCATTTGGAGGTGAACCATAAAGAGTCGGAAGAATCTGTG
GCTGTTCTACATATTCAGTACCCAGAATGGCCTGACCATGGAGTTCCTAATGACACACTTGCTGTTCTGTGAAAT
GTTGAAGAGGCTGTATCATTTACCTCCCGATCTTGGTCTGAATAGTGGTGCATTGCANGTATT

>trans_s_1980 NM_001052026|Oryza sativa Japonica Group Os01g0964900 (Os01g0964900)
mRNA, complete cds

GAGGTTGTCCCGCGGCCACGCCGCAAGCTTATTGACTCTCCTTCCGCAAACCTAAATTAATTAATCAATACTT
TATATAATTACCGATCTCCATTTTCCGATTATCCTCCATTTCCCGCGGAGATCAGAGTCATAATCTGAGTGATG
GAAACCAGGCTCTCCGCCGCTCTCGGCCTTCCCTACCGGATGCCGTTTGTTATCCTTCTTTTTCGAATTCCCC
ACTCTTTTCTCCAACCTTGATTCATTTTTCTGCTGGGAATAAACCCCTAAAGATCGGAATCACTTCCCTCTCCGT

TTTCTTCACTTTCCTTATCCACAGAGGAGCAAGTTTTACCCCCAAATCCCCAATTGGGTCAAACCCGTCTCTA
GAAGCAACCCAAAAATCCAATCCCTTATGAAGAATTTGTCCGTCTTGAACGGGCAGTCGTGGTGCCGCTGG
TGGTGCCATGGCCGGCGCCTTTACTTACGTGTGTCTTCTTCCACTTGACACCATTAAAACCAGGCTACAGACAA
AAGGGGCTTCAGAGATTTACAAGAACACGTTTCGACGCTGTCTGCAAGACCTTTCAATCCAGAGGGATTCTCGG
GTTTTACAGCGGCATTTCGGCAGTAATCGTCGGTTCGGCAGCTTCATCCGCCGTTATTTTGAACTTGTGAGT
TTGGTAAGTCGATTTTGTCCAAATTTGATTACCTTCTCTGCTTATTCCTCCAAGTCTGGGGCTATGGGAAATA
TCATCTCCTCAGCTGTAATGGTGCCGAAGGAATTAATTACTCAGAGAATGCAAGTTGGGGCTAAAGGGAGAT
CTTGGGAAGTTTGTGATTGAGATTTAGAGAAAGATGGTATAATGGGTCTTTATGCTGGTTATTTTGCTACATTG
CTTAGGAACTTACCTGCTGGGGTTTTGAGTTACTCTTTCGTTGAGTATCTGAAAGCTGCTG

>trans_s_1981 NM_001054250|Oryza sativa Japonica Group Os02g0673600 (Os02g0673600)
mRNA, complete cds

GCCCAACCCACCAAGAAGAAAATAAAACCATCCCTAGAAAATAAAGGAGAAAGAAAGAAAAAGCTATCTGG
GTTTCGTTTGTAATTTTTGAACTACTGAGCACGCGATCAAACGCTTCAATCTTGTTTCCAAATTTTCATCTTTT
TTTTTTTTTTGGTTCTTCTCTCAGTCAAATCCCATACGGTTGTTGGAATTGGAATTAGTGTCTTCTAACAAAA
TCAGAACTCGGGTCGATGGCTAATCTCTATGTCAAGGCTGTACCCCGGCGGATCTGAATAGGAACACAGAAT
GGTTTATGTATCCCGGTGTTTGGACGACCTATATTCTCATTCTCTTCTCGCTTGGCTTCTCGTTCTATCTGTATT
TGGCTGCTCTCCTGGCATGGCTTGGACCGTCGTCAATCTATCTCATTTTGCTGTCACTTACCACTTCTTCCATTG
GAAGAAAGGGACACCATTTGCTGAAGACCAGGGGATCTACAACAGGTTGACATGGTGGGAGCAGATTGATA
ATGGAAAGCAGCTTACGCGCAACAGAAAATTCTTGACCGTTGTTCTGTGGTGTACTTGATAGCCTCGCA
CACAAGTACTATCAACATCCAATGTTGTTTCTCAACACTCTTGAGTAATTGTACTAGTTATTGCAAAGTTTCC
CCACATGCACAAGGTACGTATCTTCGGAATCAACGCCGACAAGTGAAGGTCACATCAAGAAATATTTGGTTTCG
ACTTGCCAAAAAGCTTCTCGTCCTCTCTCAATCTGGTAAAATGTTATATCTCTGTATAGTAGTTGGGACTGGA
AGGATACTGAAAAATTTGTAGTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGTACCGACTGCTTGTCCGCTGT
TGCTTAATGAATAAGTAAATGCAATTATCTTTTATACAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1982 DQ321490|Nicotiana benthamiana AGO4-1 mRNA, partial cds

CACCCGGTACTATTATTGACAACAAAATTTGTCATCCAAGAAACAATGATTTCTATCTCTGTGCTCATGCTGGA
ATGATTGGTACTACAAGGCCTACTCATTATCACGTTCTGTTAGATGAAGTTGGTTTTCTGCAGATGACCTGCA
AGAACTAGTCACTCTCTATCCTACGTATACCAAAGAAGTACTACAGCAATTTCTGTTGTTGCTCCGGTCTGCT
ACGCTCATTTGGCAGCCACCCAGATTGGGCAGTTTATTAAGTTTGAAGATACATCAGAGACAACCTCGAGCGA
TGGCGGGCTGACGAGTGACAGGGGAGTTCTGTGCCCCAACTGCCGAGATTGCAGGAGAAGGTTTGCAACTC
CATGTTCTTCTGCTGAGGAGATGGGGTTGAAGGAAGGTAGTAAGTTAGTATCTAATTTTGGTGCACAGAAGAT
GGTAGGTTTTGTTGTCCATCAATAGTAAGATGGGGACCTTATTTAGTGTACGAATCTGGGAGTGGTTGTGG
TTTAAATGGCACCCCTTCGTCCTTCGTCGGTTTGTGTTTGAAGTACAAAACAAACCTCAAACTCTTTTTGATTT
TTATTTTGTGATGATGCTAGCCTGGCTTTGGCTTTGTTTAGTATATATATAGAAAGCCAGCAAGGAGTA
GAGGGGTCACTTTGATTTTATTATCCTCTGAAACTAAGCAGCACAATCGTATAGTGAGTAGCGGGTCACCTTG
CTGCGGGCTTTGGAAGTGCCTGCCTCCCTTGGCAGAGCAGAGACTTGAAAATTGTCTTTTATTTTATCTCTGCTTC
AATCTAAGCCTACTAATTGGTGCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1983 XM_002314638|Populus trichocarpa homocysteine s-methyltransferase (HMT2),
mRNA

TGAAAAATTTCCACAGAAGAAGAGTGCAAATCTGGCTAATGCAGGTGCTGACTTAATCGCGTTTGAGACAAT
TCCAAACAAGTTGGAAGCTCAAGTAAGAAAAATATTGTCGAAAACCAGTTGTTATTGTTGGTGTCTGCGTTCCA
AGTTTAACTTCTTGGTGCTGCTTATGTGGAATTTTCAGGCATATGCTGAGCTTCTTGATGAAGAGGGAATCGA
AATTCCTGCTTGGTTTTCTTCAACTCCAAGGATGGAATCAATGTTGTTAGTGGGGATTCTATATCTGACTGTG
CCTCCATTGCAGATGCTTCAAAGCAAGTTGTTGCTGTTGGAATCAACTGTACTCCTCCAGATATATTCATGGA
TTAATCTTGTCGATTCAAGGAGGTCACTGACAAGCCAATTGTAGTTTATCCAAACAGTGGAGAACTTATGATG
GTGTGACCAAACAGTGGTTGAAATCCGATGGAATGATAGGGGAAGACTTTGTATCATATGTGAGAAAGTGG
AGGAAGCTGGAGCCTCTCTGTTTGGCGGGTGTGCAGAACCACTCCAAACACAATCAGAGGCATAGCAAAAG
CGCTTTCTTCTAAAACTTTTTGAGCTCTTCCCTATATTTACAACTTTGATGCCCATGTCTTTGATGAATGCTGA
AGTTTTCAAGCTTTTTCAAGATCATGCAATAATTTTGAAGCTGATGGTGATTGATGGTTCCATAGCAAACC
AACAAATGGAGGTCGTAAAATTAGAGAGGAAAAAGAGAAGCCTATAATGCTTGAAGACAAAAGCAAGCAGT
CCATTTCTTAGTGTAGTGTGGGGATGAAGATATGCCAATGTTGTGTAGCTCCCACTTTTAAGTACCTAATTACA
TCCTTAGGGTTTGGCTTTAGAGTCTCTAAAAAGGGATATTAGAGCTAATGTTTTAGGGTTTCATAATAAAT

>trans_s_1984 NM_124490|Arabidopsis thaliana 4-alpha-hydroxytetrahydrobiopterin dehydratase
(AT5G51110) mRNA, complete cds

AGAAAATAAGAAAAGGAAAACACCCGAGTGTGCTTCAGTCTCATCCTTCAACCATGGCCACAACCTCATCCAC
CCATCTCCACCTACACCTCCCTCTCCTCCCTCTTCCCCAACCCACCGCCCCGCTTCTCTTCCCTACCCACCACC
CTCCTCCGCCGTAGCCGCCGTTCCGTCACGATCTCCGTGGGAACAGACATACTAGGAGACTTCGGCGCGAGAG
ACCCATTTCCGGCGGAAATCGAAAGCAATTTCCGGGATAAAGTGATCGGATATTCCAATACAGAGCACAAGA
TTCTGATCCCTAATGCCCAGCCTTGCTCTGTCTCAACAAGAGTGTGTTCCAGTTTCTTCGTTGCAGGCTCCA
ATGGCAGAGGATGAAGCCAAAATGCTCCTGAAGAAGGTTGTGGGTTGGAAATTGGTGGATGATGGAAGTGG
GGGATTAAAGCTTCAATGTTTATGGAAATTGAGGGACTTTAAATGCAGTGCTGAGCTGATTAATAAAATTTGT
CAAGTTGTTGAGAACGTTGGCCATTTTCTGATCTTCATTTGGAGCAACCTAACCAAGTTAGAGCTGAGCTTTG
GACTTCATCCATTGGTGGTTTGAGCATGAATAATTACATAGTAGCTGCAAAAATTGATGAGATTAACATCA
GATCTTGCTCCCAGGAAAAGAGCTTGGGCATAAACTCAAACCACTTTTTTTTTTCTTGATTTTTTTCATATTTA
ATTTGTATGAATAAAACCTTTTTTCTTCATCTTTTTAATTTTCTTTCCTTTAAAGCCTCCTGTATACTAACTG
TTTGATAATTTGATTTATTTAGTCTGATGATAAGCAATGCCCAAATAAGTGTGTGATGCTGCTCTACACTTCTT
CATTTTTGTGAAAATTTTCACTCTAAATTGAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1985 AJ879897|Glycine max mRNA for pyruvate kinase (pk3 gene)

CAACATCCAGGGAAAACCTGTTGTACAGCAACACAGATGCTGGAATCAATGATTAAATCTCCTAGGCCAACT
AGAGCTGAAGCCACTGATGTTGCAAATGTTGTTCTTGATGGGACAGATTGCGTAATGTTAAGTGGTGAAACG
GCTGCTGGAGCATATCCTGAACCTGCTGTTAGAACAATGGCAAAAATATGTGTTGAAGCTGAGAGCACCTTC
ATTATGGTGATGTCTTTAAAAGAATTATGGAACATTCACCAGTTCCCATGAGCCCATTAGAAAGCCTGGCTTCT
TCTGCTGTTAGGACAGCAAACCTCAGCCAAGGCAGCTCTTATACTTGTCTAACTAGAGGAGGAAGCACAGCAA
AATTGGTGGCCAAGTATAGGCCAGGAACGCCAATCTTGTCTGTAGTTGTCCCTGAGATTAAGACGGATTCATT
TGATTGGTCATGCAGTGATGAAGCTCCAGCAAGGCATAGCTTAATCTTTCGAGGCTTGGTACCGGTTCTTAGC
ACAGCCTCAGCAAGGTCGTCTCATGCGGAGACAACAGAAGAAGCAATAGAGTTTGCTATTACAGCATGCAAAG
TCCAAGGGCCTCTGCAAAAATGGAGATTCTGTGGTGGCTCTTCACCGGGTCGGTACAGCTTCTGTTATCAAGA
TATTGACTGTGAAGTAGTAATCATGCCCTTTGAAGATTTTTTTTTTGCATTACACAGATCAGATTAAATCCAA
TAATTGCTCCTGATTTTCATCATTGTTTACGGGGTCGTTGAGACCACCAAGTTTAACTTACGCTCTTTCCTCTGTG
ATACAGACAAATGTCGTGTTACTGGAAACCAAACAGTATGTTTGTGTTTGAATAATTATGTTTTGTTTCATCAATA
AATTGTTGCCGTTTGCCAGACATCTTGATGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1986 Z73553|P.sativum mRNA for pore protein

AACGGCAAATACTGGCCTCGGGCTGGGCAAACGAAAAAGTTGGACTCATCTTCTTCTCNAGAGTCCAATCA
AATCAAAGATCCAAAAAGCCACTAAAATCCAAATTTATTTTCGCATTTTAAGTACACTCCAAAAATCTTGAACAA
TTTGTAGCGGCAAAAATCAGGGACAACCCATTTCTACCACCATCCTCCACTTTCAATCCCTTCTCACACACTATC
TCTACAACGACACCATGCCTCGCACC GGCTTCGTCGGCTCCTTATCGACCCCCAAGGTTGATGTCGTCATCGAT
ATGGGTAATCCCTTTCTCAACCTCACCGTCGATGGCTTCTTGAAGATCGGATCCGTCGCTGCTACTCGAGCGGC
TGCTGAGGATGCTTATCATGTTGTTAGAAAAGGAACGATTTCTACTCACAATTTTGAAAATACGTTGAAGAAA
ATGTGTAAAGAAGGTGCATATTGGGGAGCCGTAGCTGGAGCTTATGTTGGTATGGAGTATGGAGTAGAAAG
GATTCGCGGCACAAGAGATTGGAAAAATGCAATGATTGGAGGTGCTTTGACGGGAGCTCTAGTATCAGCCGC
GAGCAACAACAACCGAGACAAAGTTGTTATTGACGCAATAACAGGAGGAGCTGTTGCAACCGCTGCAGAGTT
CATAAACTATCTTACTTGACACCGAGGTTTACCGAGCATTTTCATGTCCCGTTTCTTGTAACCTCGAGCAAAA
GAATAATCAGCTTTGTATGATTAGTCTCTCTTAGAGTTGCAGCCTAACTATGAAGAAAAAGAGAAACAAAGA
GTAATACAAATATCTTTTTTCTTCATTAATGAGAGCCACATGTTTTGTTGAGGCTGTAATCGCAGCTATAGTTTC
ATTGTTATAAAGAACAACAAAAGTATTGGTTAAGTTTTTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1987 NM_001054721|Oryza sativa Japonica Group Os02g0760000 (Os02g0760000)
mRNA, complete cds

GATTTTCTCTCAACTTCTCTCCATTTTTTTCCCGGATGCCAAACACTCCACCAGGATGTCGGGCGCCTGGGATG
AACACACTGTTACCGATTCCGATCGACAACCCGACTACGATCATCAATATTCCCACTTCAATTCGATTTCTTCT
CCGCCATTGTAAACCCAAGGATTACTACAAAATTTTGGAGGTCGATTACGATGCTACCGACGATGACATTCGT
TCCAATTACATACGACTTGCTCTGAAGTGGCATCCCGATAAGCAGAAAGATAACGACGGTGCCACTTCCAGAT
TTCAGGACATAAACGAGGCATATCAAGGTCAGTTGCGCGCCATAACCCTTTTTTCCCTTGAAGAAAAACGCTG
CAAAAACAAAAAGTCAGGACAAAAACGAGGCATACCAAGTTTTAAGCGATCCATTGAGAAGGCAGGAATAC
GACAAGAAAGGGATGCTTTATGTAAATGATGATAACATAGTGGATTACCTCAAGCGGTACAAAAGCCTTATTT
TAACATGTAATGGCCTCGGTATGAAGTATTCAATTTGGTGAAATTGAAGTTTCCCACAACCTGCAAAAAGGCC
TTTCTTGGTACGTTTTGGATCTTCCAAGAATGAAAAGGGCTTTGTGATCATGCTACTTGTAAATGATATTGACGT
GTGAGAGTGATTCTAGAATGGTTAAATATTGTGTCAATTTCAAATCACTCAGAAAAATGTTTTTAATCATT
CAAAACCGAAAAACATGTTTAGAAGTGAAAACATAAATATTGAGATGATTTCTAGTGATAAACGGTATGTTTC
ACGGTGATTTTAAATATGAAAAAATGATCTTAACCATTTCAAATCACTCCCAAATGTGTACTTGTTGTATTAC
ATGTAATCAAGGGATGGAGGCTTTTTGTTGCGAGGCACTTTTCTGCTTCCCCTCTTCTTCGCTA

>trans_s_1988 XM_002882462|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1974, mRNA

AGTTAAGTTCAGTCGTAGCTCTAGTACAGTTTCCACTTGGACCTTGGTCAGGCCCAGGTGATTGTGTTACAACA
TTAGTCTTCACTGTGGATCTAGTCTTGCTTATCCTCGACACAGCATGCTGAAATTGTGATTGTTTTGTATTTTG
CATACATTATATGTGAAGTTTCACTGTGCATACAGGTGAGGTTGGTATACAGATCAACGTTGATCTTCCTTCAG
ATATTGAACTAGTTGAATCATTACATAAAGACAGCATATGGCGACAAGCAAGAGGAACCGCAACTGAAATCTC
AATCGTCGAGGTAGTAGCTGGGCCCTCCGAGAAGGTTGGTTCTGCTCAACAATGGTATGATGAATTGGATAG
TCTAGCCTTTTACCGCAAGAATCAGAAATGGTGGAAGATAATGTAAGAGCGCAAAATTATATTGGAGACAAT
AAAGTTCACATTGAGTGTGCTGTCAATACAAGTCCTGGAACCTAGCGAGGTTATAGTGTATGCAGCCCTATATTT
AAGGCTTAGAAGAAACCAAGATTTTGAAGGCAATGGGAAGAAACATCTTGCAATGAGGATAGCAGATTTTTT
GTACCGTAGAGGAAGATAAAAGAGAATTGCATTCAGTTTCTTATAAATAGTAAAGAGATTGAGAGAGCT
CATTTTTGTGAAGCCTTTGCATGTCAGGATAAAGTTAGATTCTTTGGCTCATCCTAAAGCTGAAAATTCCAAAA
GTATTACCCTCACAAAATCCTCAGTTGAAGTTAATGTGTCACTTTCTCCTAGGTTCACTAATTAATGTTCTTGT

ACCAAATGATTGTATCATTATTCTGGTGTACTTGTCTGTTTGATTGTTTTCTTGCTCTATTTCCACTCTATTG
TTGTAGTGTAGAAAAATAAATGCATACCTTTGTCTTTGGTTGTGCCAAATAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1989 Y10990|N.tabacum mRNA for tyrosyl-tRNA synthetase

TTTTCTCGTTTATCAATTTACCCATCGCCAGCCGTCATTTCCACCCAATCAAGTTTTTTCTAAACCTAACTCCT
TCGCCGCAGCCACACCAAATCCTGAATTTGCAAATATTTGGATCAAGACGAGATTTCAAATTCATTTTGATT
GAAAATTTCTTCAAATCAAAAGGTTCCAAGCAGTGGCTTCAATGGCGACAGAAGCACCTTCGCAAGCTCCATC
CGAGGATTTACAGTCCCTCTCAATCTCAGACGCGAAAGTTCAGGAGCCGGCTTGTTTCATCAAACCTCTCAAACC
AATTGAGTTTGGAGGAGAAGTACCAAATTGTTAGAAGTGTGGGGAAGAGTGATTCAAGAAGATGAGCTGC
GGAACCTTGCTTGATAAGAAGCCGGAACCAAGTGTGCTATGATGGGTTGGAACCATCTGGGAGAATGCATATTG
CTCAGGGAGTGATGAAGGCAATAAATGTCAACAAGCTTACTTCTGCTGGATGCAGAGTGAAAATATGGATTG
CAGATTGGTTTGCTCAGCTCAACAACAAAATGGGGGGTGATCTGAAGAAAATCGAGACTGTTGGCCGCTATTT
AATTGAGATATGGAAAGCAGTTGGGATGGATCTGGAAGGAGGTAAGGTTGAATTTTTGTGGTCTTCAAAGGA
GATTAACCTAGGGCAGGGGAATACTGGCCCTTGAATGGATATCGCTAGGAGAAACAAGCTTCCAAGGAT
AATTAGGTGTAGCCAAATTATGGGAAGAAAATGAACAGGATGAGTTGACTGCTGCCCAAATTCTCTACCCATGC
ATGCAATGTGCTGACATTTTTTCTGAAGGCTGACATCTGTNCACTGGGAATGGATCAACGGAAAGTAAATG
TCCTTTCAGAGAGTATTGTGATGACATCAAGAGGAAAAACAAGCCCATCATCCTATCACATCATATGTTGC

>trans_s_1990 Z73935|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB1X

TTTTCAACTCCATTTTCACTGACCTACACAACCTCCATGGGATCTCCCTCCCTCACCTCAATCTCTCCTTCAA
GGTCTCCTCATCGGCGATTCCGCCGTCGGCAAAGCAGCCTTCTCCACACCTTCATTTCCGCCTCTCTCCACGA
TCTCTCTCCACCATTGGTGTGGATTTCAAGATCAAGCAACTTACCGTTGGTGGGAAGAGGTTGAAGTTGACT
ATTTGGGATACTGCTGGGCAAGAGAGGTTTCAATCACTAGTTCATACTACAGAGGTGCTCAAGGGATCA
TTCTTGTATGATGTGACTCGGAGAGAAACCTTTGCAAACCTATTGGATGTATGGGCAAATGAAGTTGAGCT
ATATTTGACAGATCAGGACTGTGTCAAGATGCTCGTTGGAAACAAAGTTGATAGAGAATCTGAAAGGGTGT
AAGCAGAGAAGATGGGATTGCACTAGCCAACAAGCTTGGATCTTTGTTTTTGTAGTGAGTGCTAAACCAGA
GAAAATGTAGAGAAATGCTTTGAAGAACTTGCCATTAAGATTATGGAGGTTCCAGTTTCTTGGAGGAAAGAT
CCAGTTTAGTAAAGAGGAGCATTTTAAGGCAAAAACAGGAAGGTCAAGCTCAACAAAGTGGTGGTTGTTGCT
CTTAGAAAGCAACTCATATAAAACTAAATTACATCATTGTATATGTGTATTTCTTCTTACACTGTTGCTTTT
TCCATTCAAGTTGAAGTTATTATTTGTACTATCTGAAAGGGAAAAAACTCACTCATAATTACATTACATTGAT
TTGCTTTGTGTAAGCCATATGTTTTCTTCTGTGCAAATAAAGTAAAAATATACTTTCCATCCNAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1991 AC051626|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F20L16 From
Chromosome V, complete sequence

TGAAAACCTGGAACACCCAAAAAGCTTCTCTAACTTTTTGCTTTTTTCTCTTACCTCTGATTGCTCATCACTTT
CTTTCTTTTTCCCTGCTTCCATTGCCCTAATCAGAACCTTCATATTCCTAAACAAATTTCTTCTAAAAGTCAAAAA
TATCCATTGCCTTCTCCTTCTCCTTCTTCTCCTTCTCCTCATTCTCATCCTCCTCTTTCCCTTTTTCTTTCCCT
TCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCTCTTATGGAAGTCTCTATTTATTCAAACAGAAACAGTGGCCAAATCCACTTG
CAACACCACCAAATCCCGGCGTTTGGAGACTGGGATAAGGCTAAAGATTTGCCGATCACTCAGTATTTGAAA
CAGCTCGTCAAGCCGTTTGATCCGCTACAGTTCCTCCTCCGAGAAAGTGGCCCTGCCTTCTCCTTCCGAC
TTGTACTCCGCCGATCGGATGAAACCTCCGCCACTCCCACCACCGCGCGCAAGGGACGGGTGAGGGAAAAAG
CGTTACCCGCATGTGGGATTAAGAAGCATCAAAATCCAATAAAGAAACAGCAAATGATGATGATGCAGC
AAGGGGGGAGAGTGTCGACGTGACGGAAACGGGGGGTGCCCGAAAGTTGAAGCAAAACGACCTGTCCTCC

ATTCCCCGTCCTCCGCCTAGATCTAATCTTACTACAATTCCTAAACCTGTTGATGAAGATCTCTACAAAATCCCA
CCTGAACTCCTCCATTCTTCTAAGCGGAGCAAAATGAAGGGGCTGTTTTCAAGGTGTTTGGTACCTGCTTGCAA
TTAAGAAATTAATCTTGGTGGCCCTTATACATTGGAGATCAGCACTATGATATGAGAAAATTGTTAATCTATC
ATATCTAATACCCTTTGGTATTCTATTTTATTTTTTATTTTTATTTTTTAACTTT

>trans_s_1992 HM122488|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L15)
mRNA, complete cds

AGTATTTCTCTCCTCAAAATGGAATCACACACCGACGGGAACCCATTTTCCGGCGAGGGGGAAGAAGACGAT
GAGAAAGAATTTAGCGAGGAGCGGAGCAGTCTTTTGGAGCTTCAACCCCTCGTCGAATAATTCATCAGATTCAA
CAAACAAACCAAGAATTTTCTCATGTAATTATTGCCAAAGAAAATTCTTCAGCTCCCAAGCATTAGGAGGCCAT
CAAAATGCCACAAAAGAGAGAGAACTTTAGCCAAACGAGTTCAGAAATTCGATTGGGCGGCGGCGATTCTCT
CTCCACGGCGGCGCGTTTGATCGACGGTCGTCGTTGGGACCTCACGCTCACTCTCAACAAATACAAAAGCCAC
CTGCCGTCGGGTTGTTTTTTGGTGGGGCAGGACCCAGCAGTGGTTCTCAGTTGTGGCCTAGGCCAATGTTTA
TGGGGCAGCAACCGGCGGTGGGGCGGTTGACGGCGGAGCTGGGTGGCCGGAATTTTGGTAGATATGATGAC
GTGGCTGAGTGGACGGCGATTGGAACGTCAAACGCCGTAATGAGAGTAGGAATAATAATAATAATAATAGT
AATATTGTTCACTCTCAAACCAACAGGATAAGGATCAGACCAATTTCTTAGATTTGTCTCTTAACTCTAACCT
TAAAACAAATTATTATTATTGTTGTTGTTGTTATTATTATTGTTATTGATTTATCTAATTGTTAGGTTAATTA
TTTTTTTTTTTTTAACTTCACATATGAAGTTATGTTATTTTGTATATTTATAAATTTATTTAGTGAAAAAAT
TACATTTGACTGTTTAGAACAATGGATTTTGAATTTTATATTATTGTTGGATTTAGGGTAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1993 EU373016|Gossypium hirsutum gland development related protein 24-like mRNA,
complete sequence

ACTCAAAAGTTTTCCATTTTTCCCCTATCAAAAACGGACCCTCAAATTTTGGATTAGGGTTCGAATTCCTTGAC
CTTCAAATTCATTCCGAACGAAGAATAAGTAATGGATCGCACATGTTGTCATGTTTCTCTCGCTTTCATCCTCAA
ATGCTTCAATTTTCTCAAGCTTTTGTGGGGTTTCGATTATAGTCTATTCTGCATGGATGCTTGATCGCTGGAA
CCACTATGTTCTGTTTCTCCGCCTCCTCTGTACCGGCTTGGCTCCTTCTCCGGCGGCTAGTTCGGTTTCGTTT
TATTTAAATTCTGAATCAGTCACCGTTGCCGATCGCATCACAGCTATGGATATAGCTGCCGATTTCACTCCTGA
GTTCAATATGGAAGAATTAAAGCTTGAAGTGAACGCCCTTAAAGCTTCCAGCCCCTTGGTTCATCTACTCATTAT
GGGATTTGGCGTCTTGTGTGTGTATTACTTTAGTTGGCTGTATTGCAGCTGAAGCAATAAGTGGCTGCTGCC
TCTGTTTCTATAACATGCTTATAACGCTATTTATTATCGTTGAAGTGGCTCTGGTGGCATTATTGCAATTGATC
GCCGGTGGGAGAAGGATCTCCGTTGGACCCAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGT
ACATTAATCTATCCAAGTGGATTGGTATCGTTGTGATTCAACCCAGGCGTTGTCTTTGCTGCTAGCAATTATTC
TGAGATCCATGGTTTCAACCGTAAACTGAGTATGACACAGAGGAGGAGTTGGTGTTCGAGATAGAACAC
GGGAGCCATTGCTTAATCCACCAGCAAATCAAGCTGCTGGTGTCTATTTGACCTTTGGGGCGCCCGCACGAG
AGAAAAGTATGGATTTAACAACAGTGACAGATACAATTCATCAAACCAAGTACGTAAA

>trans_s_1994 NM_123498|Arabidopsis thaliana potassium channel tetramerisation domain-
containing protein (AT5G41330) mRNA, complete cds

AAGGCAGGAAGTCAACCTTGTTCCCGCTCTTGTTCTTCATCAAAATTTTGTCCCTCTAACTTCCCCGTTTCGATT
CATCGATGATGTCGCCCCCAATTTAGGTTCAATTTCTTCTCCGATTCTACCGCAGCCGTTAAACCCTGAAT
CTAACATTGTCACCATTAATGTCGGTGGCCACCTCTTCAAACCAAGCAAACCCTAGCCCTTGCCGGTTCT
AGATCTCTGTTATCAACCATCTCCGATTATCGCAATCCGTCGTACCTTTATCGATCGAGATCCCGATCTCTTT
TCTGTCATCATTTTCGCTTCTTAGAACCGGTTATCTTCCTCCAAGGCCAAAGCCTTTGATCTCCAAGACCTAAT

TCAGAGTCCCAGTTCTATGGAGTCGAATCCCTTTTAATCAATTCTCTCTCTAATCCTTCTCAATTCGAAGCTTTCA
ATCTCGAGAAGTCTCTGATTCTCCCTCTCAATGGCCGAGATTCTCCGTCGACGATCGCGACAACGCCGTTTGGT
TCACTCCACGTTGCTCACGGCGGCAAGATCACCTCTTCGATTGGTCACTTCAGAGAAAGACAACGATCCTAAC
GCAATTCTCCGTCATTGATTCTCTTTAGCGTTGTCGCCATCGCTAGCCGCTGCTGGCGCTACCGACTTCTCTGG
TTTGAAATCCTCAATCTCCAAACAGGCCAAGTGAATCAATTCTCAATTGGGAGAATGTGACTCGATCCAGTT
CCACCGTGCAAGCCATCGGAGCTTCTTCTGAACTTCTCTTACCAGCTTCGAATCAGGCAGAAGAACTCAAAT
TCCATAATGATATACGATTTACAAACCTTCAATCCAGTCAACGAAATCGCTCGCAACGAGATCTACGGTGTCTGA
GATTGATTCAGCAATCCCAGCTACAATGTTGAAATGGGTTGCAGGTTATAATCTG

>trans_s_1995 NM_001055882|Oryza sativa Japonica Group Os03g0211400 (Os03g0211400)
mRNA, complete cds

TACACAGAAAGTGAATCAGAGAATGACTTTTACTATGAAGGAGATGAAATTGGCAGCAGTGAAGCAGAAGAT
AATGCTTCAAGTGAAGGTGGTGAATGAGGATCTCAAATCATGGGATGTTGCCATCCAAAGAAAAGGAT
CCTCGATCTACAAAAGTAAGTTTCAGGAGGGGAAGAATTATTGACATCCGTTCTGAGACTAATAGTCCGAGAA
GGCTTAAATTTAGGCGTGGAAGGTTGTTGACAGAGAATCAAAAGGCTGGAGATGGCCTTAGGAAGAACTTCA
AGAGAGGAAAAGAAGTTGACTGTGAAACCAATACCACAGCTCAAGAACTGTTGTCTTGAGGCACCAAGATG
TGCAAGGGAAAAAAGATGCGCAGGGCTTGTGTTAACAATGTTATTGAAGAAACCGCAAGTAACTCGTGGA
CTCGAAAGAGCAAGGTTAAGGCCTTGTTGGTGCATTTGAACTGTGATCTCCCTGCAAGATGGAAAACCTTC
TCTCGAGTCTTGACACTGTGAGTGATGACTGAGAGTTTGAGCTTGACTTAAGTATCTAACTGATCTGCATAGAG
TGGTAGGAAATAAAGCTCAGGTTGAAAAAGACTAAATGAACCTGGCAAGCTGAGACTGCAGTAGCCATAGAA
ATAGATTGCTGTTTTTATTGATAGGAAGGTCTCTGTACACAGTTAGATAGTGTGTTGGGTTTTTTTTTATCTTTT
TCTGGGTAATCGTCTGCTCCTTAATAACCACTGGTTTATACTAAATTGCATTATTGATTTGTGAGTTGCACATAA
AATAAGGGTAGGCTCATGACTTCATGTGTTTTTGATTGACAGTTATCTGCCAAGTTTGGATCTTTAATTGTAA
GTCGTGACTTTCTTTGGTTGTGAAGGATTTATACTTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1996 NM_001074146|Oryza sativa Japonica Group Os11g0247400 (Os11g0247400)
mRNA, complete cds

AAGATACCAGCAATTCAGCCGAACAATGATACAGTCCTGGATATTACAAGGTAAAGTATTGGTAGATGGCAA
AGTAATCAGTAAAGCTGGAACACCCGTCGCCGATAAAGCTAAGGTTGAGATAATTGCTGAAGTTCCCAAATAT
GTATGTAGAGCAGGATTGAAGTTGGAAGCTGCCATTGAACAGTTGGATGTTGATGTTAATGGTAAAGTTGCTC
TTGATGCTGGGTTATCCACTGGAGGATTTACTGACTGTTTGCTTCAGCATGGGGCTTCATTTGTCTATGGAGTT
GATGTTGGTTATGGGCAGGTTGCTGACAAGATTCGTCGAGATGAGCGTGTTTGTGTGATGGAAAGGACGAAC
TTAAGATATCTTGCTGGACTTCCTCAAAAAGTTGATATTGTGACTCTGGACCTTCCTTCATCTCTATTCTCTGG
TTATGCCTGCTGTGGTCAATGTGATGAAAGAAACGTCAACTATAGTTACTTTGGTGAAACCTCAGTTTGAATGT
CGCAGATCACAAGTAGGAGGTGGGGGAATCGTGAGAGATCCTCAAGTCCACCAGGAGGTTCTTGAGAAGAT
CATAAAGGTGTAGAGAATTTTCGGATTCTGCAGCAAAGGTTGGATTGAATCACCATTGAAGGGCGCTGAGGG
TAATACAGAAATTTTGGTTTGCTTTGACAGGACAACAGTTTCTACTTCGAATCAAGAATAACTTCATCTAGTTTA
TTATCCTTTCTGCAAACCAGCAGTTTCTAGTTTTTAATCTATGTACTTCACCTCGTACAATGATTGTTTCATCTAGT
TTTCATTTATTTAATATAAAATGCAGCTATATCAATCCTAAAGTTATGTAGCCACCCACACATTTTACTTATCA
TGATTGATTATTGTATCAACTGTGCCAATTCAACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1997 XM_002328239|Populus trichocarpa aromatic and neutral amino acid transporter
(PtrANT2), mRNA

AGAGATGAAAGACAGAGATCAATTTGGTAAGATATTAGGTACCTCAATGGCGTTTATCCTGCTCTATATGGTG
GATTTGGGGTTCTGGGTTACTTTGCTTTTGGACAAGAAACGAGTGATGTGATTACTTCAAACATGGGTCTCGG
ATTATTAAGCGCCATTGTTAACTAGGTCTCTGTATAAACTTATTCTTCACTATGCCATTGATGATGAATCCAGC
TTATGAGATTATTGAGAGAAGATTCTCAAGAGGAAGATATTGTGTTTGGCTGAGATGGTTACTTGTTGTATTA
GCAACTTTAATGGCTATGTGGGTTCTAATTTTACAGATTCTTGTCATTGGTTGGAAGTGGATTGTGCTGTTT
ATTGGGTTTTGTTCTTCTGCACTCTCCATCTACTTGTTTTCAAAGAAGAAATGGGATGGAAAGGATGGTGTG
TAGATTTGTTCAATTGTTGTTTCTGGGATTGTTCTTGGAGTTGCTGGAAGTATTAGTGCTGTTGAACAGATGTATT
TTGCTAAAGAATCTTCTCAATTTCAAGCTTACAAATGGAAGTAGTTTAAATTCTTCTGAGGTTTCATTCAAAGAT
GAAAAATGATGGGGTTGCTCTCTTTTGTCTAAGGAACTCAACTTAGCTTCTTCATATCATCCATCTTCATCATGCA
AAGCTTCAAGGAGATTCAATATCAATGGAGGTTTGATGTTATTTGTTTCTATTTAATGCTTTCAAGAAGGTTT
AATTATGGAAATATTATGACGTTGAGTATATGTGGTTAATTAAGAATCTTAAGATCTTGTTTATAGTTTTGGCC
TTTTGGGTATATTATGATGTATTGTAGTTTATACTTCAATAATTGTACTTTGTATTGTACAATGGATTTTAAATT
AAAAGTTGTTGATTATTATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1998 NM_001073310 | Oryza sativa Japonica Group Os12g0484700 (Os12g0484700)
mRNA, complete cds

CAACTAAGTCATCAAATCAAATCATTTTCATCTTCAAACCAAACCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCCTAAA
ACTGTGTAGACAGCTTCAGAGCGGCACATCCATGGAGACACACTCTCCCTCGACTCATCCTTCCTTCCCTTAA
TTTCTCACTTCACTTTCTAAACCTATTTTCTTTTCTTAATTAAATCCCAATTCCTTTTACAGTCGCCAAGCTA
AGAATGACTTCTCTTCCAGTTTTCTTAACCTCCCACTCTTCTCTCTCTCCATCTCTTCAATTTTTATTTAACTTCC
TCAGATTTCTGGGTCACCATTGATTTTCATTGTAGGAGGGGAGGTGTCTGGAGCTCTTCTGCTTGATGATCAAT
GGCTGAACTGTTGGGGCCTCGTTTGTACAGCTGCTGTAATTGTAGAAACCATGTTGCCTTTCACGATGATATCA
TTTCTAAAGCTTTTCAAGGAAGGCATGGGCGTGCTTTTCTTCTCTCATGCTATGAACATCACAGTGGGACCA
AAAGAAGACCGACATCTCATGACGGGTCTCCCACTGTTGCTGATGTGCATTGTGTTGACTGCCGTGAGGTGC
TCGGGTGGAAATATGAGAGGGCATATGAGGCATCTCAGAAGTACAAAGAAGGGAAGTTCATTCTTGAAAAAT
CAAAAATCGTCAGGGACAACCTGGTAGCATCCTCTGGTCGTATTTTAAATGCATTGATTTTTATCTTGATGTAAGT
TTATTGATTCTTCGTGATGTTATCTTGATATATAAAGCTCTCATCTATCTCGTCATTGTTTTCTATTCCTCGTGATA
TAGTATATTTCTTTAAGTTGTGAAGTCAATTGGATATCATTGTATTTTGAGTCCTCACCATATGTGTTAATGAAA
TTGTGGTGCTTAAATTAAATCATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_1999 NM_001071965 | Oryza sativa Japonica Group Os10g0567400 (Os10g0567400)
mRNA, complete cds

GGTGAAATTTTAAACCCCTGCATCTGGGCTCCAAGGTTACTGGGACCCCTTACCCTATAGACATGGAATTTTCGAC
CACCTTGTATGGTGTTATCGACTATCGGTATCTCAAACCAGGAAACTAGAAGGCCAAAGTACCAGAGAGTG
CTCGACACGTCTTCATCAACTTCATGTGTGCTTACCTTCAACAAGACAGAAAACAAGACTATTGTACAGAATGT
CACTGGATTTTGGCCCTGTGTTGAAGCAGATTCCCTTCATGCACTATCTCTGGAGACACTTTCAGAACAGGTA
TTGAACGAGGACTTGAGGCTCGTCATTGGTCAGCAAGAGAGAATGGTCAACGGAGCAAATATTTGGAATATG
CCGGTTTCTTACGATAAGCTAGGTGTAAGATACAGGTTATGGAGAAATGCAGTAGAAGAAGGAGCAAAACAA
TTACCATTAGCCAATCAACTTGAACATTAATAAACTTAATTAACCTAAAAACATTTCTTAGGACACCCATAAAC
ACAACCCCAACCCCCCTTCTTTTCAAACCTTAAACATTCTGGCTGAGACAAAAAAAAAAGAAAAAAGACCA
ACATACCATCCCTCCTATCAGCTTCCACTTTTGAGAAGGATTTTCTCAATTGGACTTTCAGAAAGCTGTAGCAA
AAAAAGCAGAAAGACGTTGGGTCTTGCCCCCACAAAATCCCCCTGTAAATTAGAAGCTGCTATATAAATT
TGATCGGTTTTGCCTTTTTTAATTTCTTTCTGCTTTGCTTTGGTTGCTTCTCCAAAGCTCACCTCCTAAGATCAT

>trans_s_2000 NM_125242|Arabidopsis thaliana phosphatidate cytidyltransferase family protein (AT5G58560) mRNA, complete cds

>trans_s_2001 EU346699|Casuarina glauca hairpin-inducing protein mRNA, complete cds

>trans_s_2002 NM_001074844|Oryza sativa Japonica Group Os11g0629200 (Os11g0629200)
mRNA, complete cds

[illegible]

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCC
CCCCCCCCAAAATTTTTAAACCCCCCACCCCGAGGGGGGGCCCGGGCCCCATTCCCCCAAATGGAGCC
CATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACCCCCCGGGGAAAACCCCTGCCTACCCCCACTTAACCC
CCTTGCGAAAACCCCCCTTTCCCCCGGGGGGAAAAAACAAAAGCCCCCCCCGGTTCCCTCCCCAAAAA
TTTGCCACCCGAAAGGGGCAAAGGGCCCCCCCCCTTCACCCCCATCAAATCCCGCGGGGGGGGGG

>trans_s_2003 AY965615|Gossypium hirsutum Rac2 (Rac2) mRNA, complete cds

ATTATATGAATTGCGATATAAACTCGCAATGAAATCCCAACCCCCAAATTCACAGCCAAAAGTAAAAAGAAGA
GAGCGGAGAGGAAAGAGTGAATTAGTGAGAATCATGTGATTTACCATACTTTGCCTTGCAACCCCTTTTCTCT
TTCTCTCATCTCTCTTTTTTCTCTTTTTCTTCTACAATCAAACCCATAAACGATTCTATAAACACCAAACGAA
AAACCCATTTTGTGTTGTTGATTTTCTTTGTGTGTAGCAATTCCTTTTTCTAAACGGTTTTAGAGTCTAAGA
GGTTGTTCTTCCCATCTGGATATTGTTTGCTTTTTTTTTGTTCAATGGCTTCCAGTGCTTCAAGGTTCAATAAT
GCGTTACGGTTGGAGATGGAGCTGTTGGGAAGACCTGCATGCTCATATGTTATACCAGTAATAAATCCCCAC
TGATTATATACCACTGTGTTTGACAACCTCAGTGCAAATGTTGTGGTTGAAGGCACCACTGTCAATTTAGGCC
TATGGGATACAGCAGGTCAAGAAGATTACAATAGATTAAGGCCATTAAGCTACAGAGGAGCTGATGTTTTCAT
CCTTGCTTTTTCGTTAGTTAGCCGAGCGAGTTACGAAAATGTACTTAAGAAGTGGATTCCGGAGCTTCAACATT
ATGCACCTGGAGTCCCGGTGGTGTGGTTGGCACCAAATTGGATCTTCGAGAGGACAAATCTATTTAGCTGA
TCATCCTGGATTGGTGCCCGTAACCACTTCGCAGGGTGAGGAACTCCGTAAACAGATAGGTGCGACATATTAC
GTCGAGTGCAGCTCAAAAACCCAGCAGAATGAGAAATCAGTTTTTGATGCAGCAATTAAGTGGTTATCAAGC
CACCACAGAAAACAAAAGAAAAGAAACGACCACACCGTGGGTGTCTCTTAAATGTGTTCT

>trans_s_2004 AF180758|Vitis riparia 60S ribosomal protein L10 (QM) mRNA, complete cds

AGCGACACAGAGCCATGGGGAGAAGACCTGCTAGATGTTACGCCAAATCAAGAACAAGCCTTATCCCAAAT
CGCGATTTTGTGCGGTGTTCCCGATCCTAAGATCAGGATTTATGATGTTGGAATGAAGAAGAAGGGTGTGA
TGAATCCCTTCTGTGTTTCATCTGTGAGTTGGGAGAAAGAGAATGTTCAAGTGAAGCTTTGGAAGCAGCT
CGTATTGCCTGTAATAAGTACATGGCGAAATTTGCTGGGAAAGATGCGTTTCATTTGAGGGTTAGAGTTTCATC
CCTTCCATGTTCTTCGAATTAACAAGATGCTTTCATGTGCTGGAGCTGATAGGCTCCAACTGGGATGAGAGG
TGCTTTTGTAAGCCACAAGGAACCTGTGCAAGAGTCGCCATTGGTCAGGTTCTTCTTTCTGTTGATGCAAGG
ACAGCAACAGCCAGCATGCTCAGGAGGCTCTCCGCCGTGCTAAGTTTAAGTTCCTGGTTCGTCAAAAGATCAT
TGTTAGCAGGAAGTGGGGATTCACTAAATTTAGCCGAGCTGATTACCTCAAGTTCAAGTCAGAGAACAAGATT
ATGCCAGATGGTGTAAATGCTAAGCTTCTGGATGCCATGGGCCTCTTGCAAACCGTCAGCCTGGAAGAGCTT
TTCTACCTCAAACCGCCTAAGCTAAGCTAGTTAATTTTTGGTTTTCGAAATTATGTGGAATTAATGTCGACATCA
TCACCATTTTCTCTGTTTGAACATTGTGAAATGAGCTAGTCTTTTTTTTTTTGTTTTTTTTTTTTTTGTTTTGGTTT
ACTACATTTTGATATTGGAACGAACTTTGTTTCTTTCTTCGAGTTCTATTTAAGAACGATAGGTTTCTTGCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCCAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2005 NM_001072179|Oryza sativa Japonica Group Os11g0129800 (Os11g0129800)
mRNA, complete cds

AACAAATGATGTCGATTAATGGGGATCGGTTGCAAGGACATTCCAGTGGTGGTGACATATATGATATTATTCA
ATATGAAGTAAGACGTGCTGTCCAAGATATCCACAGCGACATTCTCAATGCTCCACAAAGCAGTGCTGATGCT
ACAGGGAATTCTGATATCGATATCCCTCCTGAATTGGTGAATCCAGGCGGATTGAATTGGAGGATTTGAAGA
GCGAGTACATGAAGAAGCTCGAGCAGTCACATGAACGAGCTAGAAAACCTCGAGCGGACTTGGCAGTGGAG
GAGCATCGTGGATTACAGCTCAGTAGAATTTGCGGGAAGTAATACCAGCTCCTAAGACTTCTATGAGACGAA
AAGCTAGCATCGAAAGAAGAAGGATGTCAAAGCGTCTAACCGACGATGCGTTGGCGTATTTTGATGAGTGTG

TATCGTTATCAACATTTGATGGTTCTGATTTCTCATCACTGGAAGAGACACCCCCAATTCACCAAGCTTCTTCCA
CTACCCAGGTGGAAGATGGCACCACCCCCAGGAACCAGCAATTGGAAGTTCAACCGAGGTTGAGCAATACA
AATTAAGACAGACATCTTACAAAAGCAGTAACCTAAGCAAACTTGGGGAAGGCAAAGCTCAATTTTCCTTCAC
CAAGAAACCACATGAAAGCTACAGATTCAAACACGACATTGGGAAGTACATCCAGAAAAGACGACACCACAGA
ATCGCAAGTAGTAAGTGCAAAGCATTGCAATATTTGAATGATACAAATTTGAAAAACGCCACGGAGAGAGT
GCTGTTGGATCGAGTTGTTTTCAAAACAGAATAGAATCGGGTAGTTTACTACTGTGCGGTGTAAATTCTACTG
CTTGTTCTCCTACTATGCTTCTATCATCTGATGAGTGTCAAAGGCACAGGTTTCGTTTGATTGTATAATAAGAA
A

>trans_s_2006 NM_121580|Arabidopsis thaliana RNA-binding S4 domain-containing protein
(AT5G15750) mRNA, complete cds

ACACTTTTAATTTTCTATACCCTAACATTAAATCTATTGTCTCTCCCAAGTCTCGGCGGTCGCCGTGTCGCCGTC
ACCATCGCTGCCGTTCAACTTCTCTTTCTCTCTCTGTTCTCCCATCTCCTTCTCAATCCTCTATCTCTACTCTC
TCCACAGAGATTCTTTTGTTCGAACCACACCGAGACCTTCTTCAGCTGCGAAGTGTCGTGAGGTGAAACAGA
AGGATGAGGAAGCTAAAGTTTCACGAGCAGAAGCTTTTGAAGAAGGTTAACTTCTTGAATGGAAGAGAGA
AGGAGGTCACAGAGAAGCCCAAGTAATGCATCGCTATCACATTACTGGACGGGATGATTACAAGAAGTATTC
GAGCTTGTGCCGTGGTGTTCAGAAGCTGGTCACAATGCTGAAGAAGATGAACGAGAAAGACCCTTTTCGATT
GGAATTGACCGAGAAGCTCCTCGAAAAGCTGTACAATATGGGTGTGATACCAACCCGACAGAGCTTGAATTT
ATGTGATCGCCTGTCAGTATCATCCTTTGCAGACGGAGGCTATCGACAGTGTTGGTACGTTTGAAGTTTGCC
GAGCATTTGAGGGAAGCAGTTACATACATTGAACAAGGGCACATTAGAGTTGGTCCAGAGACGGTAACTGAT
CCTGCATTTCTAGTTACGAGAAATATGGAGGACTTCATAACATGGGTTGATTCATCAAAGATAAAGAGAAAAG
TTCTACAATACAATGATCAGTTGGATGATTATGATGCTATTAAGTGTGAGATACTGTCCAAGTTTTGTTTCTTT
TTCATTATTTTCATCTTTGTATGAATCTTTTCTCTGGTACTCTTATCGAAATGGCTATTTAAGGTAGCGAAAGTTT
GCCCTTTCTTTTCTAATCAATATATATAATTTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2007 NM_119500|Arabidopsis thaliana ATNAP13; transporter (ATNAP13) mRNA,
complete cds

AGAAAAAAAAAGGAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGGAGTAAACGCGGCAGTCCCCGTCTCTCTCTCCAGC
GCGCTAACGACGACCAGCCACCTCTCCGCCGGTCAGTTTCCGCCCCACGCCTGCCAACCCCTCGTACGTCACCG
CCGAGCAATGGTTTTGAAGAGTTCTCTTTCAATCTTGTTACGCCATCGCCACCTCTTTTCCCCTCTCTTCTC
CAATCCCCCTCCAGGATAAATATTACTGAGAATATAGCCATTGAGGGACGCAATCTCAGCTTCTCGATCACCA
CGAAGCAGGGCAATTTTGTGCCTATTCTTAGGGATTGTTCACTCCGCATTCTTCAGGACAGTTTTGGATGCTT
CTTGACCTAATGGCTGTGGAAAGTCCACCCTCTTGAAGGTCTTGGCTGGTCTTTGAATACAACATCTGGTG
AGTATACGTCAAGAAGCCAAAGTGCTTTGTCTTCCAAACCCGGACTATCAGGTAGTTATGCCTACTGTGGAA
GCTGATGTTGCATTTGCCTCGGTAAGTTAAATTTGAGCAATGATGAAGTTAAATCAAGAGTTTTGGAAGCTC
TGAGTGCAAGTTGGCATGTCTAGCTACCTTCAGAGATCTGTCCAAACACTGAGTGGTGGTCAGAAGCAAAGAG
TTGCCATTGCTGGTGCTTTGGCTGAAGCATGTAAAGTGCTTCTACTAGATGAACTGACCACATTTCTTGATGAG
AATGATCAGATGGGGGTGATCAAAGCAGTTAGGAATTCTTTACACAATTCTGAAGATGTTACAGCATTATGGG
TGACCCATCGCTTAGAAGAACTCGAGTATGCAGATGGAGCTATTTACATGGAAGACGGGTAAGTCGTCATGC
ATGGTGATGTGGCAAGTATCCAAAGTTTCATTCAAACAAAACAATCAGATTATATCAAGCGTACATA

>trans_s_2008 NM_001059772|Oryza sativa Japonica Group Os04g0502900 (Os04g0502900)
mRNA, complete cds

>trans_s_2009 NM_001068847|Oryza sativa Japonica Group Os08g0528500 (Os08g0528500)
mRNA, complete cds

>trans_s_2010 NM_105468|Arabidopsis thaliana CCoAMT; caffeoyl-CoA O-methyltransferase (CCoAMT) mRNA, complete cds

ACAACATTTACCGAAATCATCTCACACTTTTTCAACCAATAATGGCGAACGATCAGAAAGAAAAGAACATCCTC
AAGAGCACCGCTCTTCTCCAGTATATTCTGAAAGCCAACTCCTATCCGAGAGAGCATGAACAGTTGAAGGAAC
TCAGGGTAGCGACGGTCGAGAAATTTAACAAGCCCAAGAGTATGATGAGTGTACCGGTGGATGAAGGATTGT
TTCTATCAATGCTTTTGAAATTGATGAATGCAAAGAAAACGATAGAGATCGGCGTGTTCACTGGCTATTCGCTC
CTCACAACGGCGCTTGCATTGCCCGCTGATGGCCAGATAACGGCAATTGATGTGGATAGACAAACGTTCGAAT
TTGTTTTGCCATTTATAAGAAAGGCGGGAGTTGATCGCAAGATCAAATTTGTGGAATCCCAGGCGTTGGTTGC
CCTCCGTGACCTCATCAAGAATGGCAAAGAAGAGTTTGATTTTGATTGTTGATGCACTGAAATCAGAGTAC
ATAGAATATCATGAGTTGCTTCTAAAATTGGTGAAGGTTGGTGGAGTAATCGCCTATGATAACACACTGTGGT
TTGGATTAGTTGCGCTAAGCGACGACGAGGTGATGAAGGTTTCAGGAAGAACAAAGTTCATGTGGAACGGT
TTAATGCTTTTTTAGTAAATGACCGGCGGGTGGAATAGCTCTCCTCTCCATTGGAGATGGTGTCACTCTCTGT
AGGCGCATCAAATAATTTAGGTGCTCTTTCCTTTCAATGGTAATAAAGAAAAATGTGGACGACATTTGATAATT

AACTTTTATGTATTTCACTGTGTTCTTTAAACGTATCGAACCTTTGGAGATCTACTTCTATTCAGCTTTGTAATCA
ATAAACACAAGTTAATCGACGAACTAAATCGTTTAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2011 NM_001052555 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0169300 (Os02g0169300)
mRNA, complete cds

ATAAGATGAGCCACATCTCCACTGGTGGTGGTGCCAGTTTAGAGCTTCTTGAGGGAAAAACGCTTCCCGGCGT
CAGTGCTCTTGACGATGCTTGAGCTTGAGGGGAACTCAAACCTCTCGCCGTTTTCCATGTGTTATATCGTTAAG
GTGGTTGTTGTTCAACCTTTTCGAGGATTTTCTCGAGTTTGTCTGTTTTTCTTGAGAAGAGGTTGTAGTTATAGG
ATAGATTATCATTTGAATAAGTCTCAAATCTCCTCTGAACGTATATGGTCCACGTTATTGGATTGGATCATTTT
TTTTCCATCTAATTTGAAATGTTAAGTAATGTTAATGCCTGGTTCATTAGGCTGTTCAACCATTAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAAATTAAAAACCCCCCAACCC
CCGGGGGGGGCCGGGCCCCCTTCCCCCAAAAAGGAGAAAAAAACCCCCCCCCCGGGGGCCTTTTTTAA
AACCGGGGGGGGAAAAAACCGGGGTATACCAAAAAAACCCCTTGAAAAAACCCCTTTTCCCCGGGG
GGGAAAAAAACCCCCCCAACCCCCCCCCCCAAAAATTGCCCCCCCAAGGGGGAAAGGGGAACC
CCCCCTGAAGGGCCCAAAAACCCGGGGGGGGGGGGGGTTTACCCAAAGGGGGACCTCAAATTTGGGGGC
CCCAACCCCCCTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTCCCCATTTTCGGGGTTTTTCCAGAAAAAA

>trans_s_2012 NM_118631 | *Arabidopsis thaliana* ATGP4 (ATGP4) mRNA, complete cds

TAATTGCTTCAGCTTCCTTGCTCTTGAATTGCTTTAATTCCTTCTAGGGCACCGGATTCGTCAGTGCCTGTC
CGATCATTTCAATCTCGGGATCCAACCTTTGTACCTGATTTCAAGGAGCATAGTCAACTCAGATGCCGGAGGAC
GATTTGATTGACATTAAGTTCAGGCTCTACGATGGTCTGATATTGGACATTTGATACTCGTCGGCATCCAC
GATTGATGTGCTTAAGCAGAGAATAGTATCCGATTGGCCAAAGGAAAAACAATCACTCCGAAGGCAGCCAG
TGAAGTAAACTGATAAGCTCTGAAAAATTTTGGAAAAATACAAACTGTTGGTCAGTGTAATTACCTTTT
GGTGAGTTCACGGGAGGAGTCACCATAATGCACGTTGTTGTACAGCCATCCCTAGCGAAAGCTAAAACAGAG
AAAAAGACTGACAATTCGAACAAAAGATCGTCTGCTCCTGTTCCATACTTTGAAATACAACACCAGTCATATG
ATTCGTTTGGAAAAGCTAGATCTTCTCTTATTAGAGGGTTTGCAACTACAAGAAGAGGGCTATTTATAGATT
ACGAAAGGCATTCATGATTCAGTGACGAGGGTAATTTTGGAGAAAATTGCTAAAGAACATATCCCCATACTTT
CTCCAACAAAAAAATTAACATTTACTTTTCTTTTAAAAAAAATAACAATAATCCTTTAAGTT
GATTAAGTCATCCTTTTTTATTCTCTTCAAGAGAAAGTTAAGCCATCCTACGAATAGCATTATTTGTAAAAAGG
AAAATATCTCTGGCACTTGGACGTGGGAGTTCAATTACGTATGGTACTTTATCTGAGAAAGAGAATTGCTTTAT
TGAATACCCAATATCCTATTGAAGCTTAATCATCATCCTTTGTGAAGAACTGTTTCGTTTCATG

>trans_s_2013 NM_202725 | *Arabidopsis thaliana* zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT3G58030) mRNA, complete cds

ATCCAAAGGACTGCATTTAGTTTCCCGTGGAGGATATGATTGACGATTAGGAAACAGATTTGATTCCAATC
GTGATCTAGACCAACCGCCAGAGCCAGACAGCTCAAATGAAACCTTCGTTAGATCTCCAACATTGTTGAATAG
GATTTTAACATCCAGGGGCATTCGTAGAGAACAATTTTCATTGCCTCATGATGATGTAGGAGATTGAGCACAC
ACTGATGTGTCTAGCATTGAGACAGGGGAAACACGTCTTCAATCTCTCCAGTGCTTCGATCATTACTACACCG
GACACGAGTTTCTTCTTCTGCTTCTGCGTTAATTCTGCTGATAGGCTTCAGAGGGTTTTTGTATACGGATCC
GCTCATTCTAGAAGTCAAGAGCAGCCTCCTCCACCTGTTGAGGATAGAGATTCTTCTCTAGTATTGCTGCTG
TCATCAATTGAGAGAGTCAAATGGATACTGCTGTAGAAATTGATTCCATGGTTTCCATTTCAACATCATCCTCCA
GAAGGAGAAATGATGCTTTACAAGTTTCGGATGTAGACAGTGGAACTCTCGGGCACCCAGACGGAGAAGAT

TAGCTTGAGAAGATTATCTGGGTCCTAAGATCCATAAATGAATGAGGGCTATAATATTTCAACACCTATGTAA
GTGCTACTTGGATCTTCTATTTACTTTTTCACTCAGCAAAAAGAATTTAACCCCTGCTTCGATGATGGACTATTA
CATGGTCCATATTCAACGGTCTTCATTTTACTGCTTATTGTACGTGAATTGAAATGTTGGCATACTTCTTGAACA
TATTGAGAAGCAAATAAGTAAACAAGTAGATTATTTTCTTTTTTTCTCCCTCATTTGTAACCCCTTTATGCA
TCAAAAACCTAGTTCAACATTTTCTTACAAATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2014 NM_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

GGTGGACAACAAATTTAAGCCTAGGGGTCGAAATGGTGGGTATTATGGATATGGAAATGAGAATATGGATG
GTTTGAATGAACTGAATAGGGGACCAAGAGCTAAGGGTAGCAAGAACCAGAAGGGATTTGTGCCTAGTGTTT
TAGCTGTGAAGGGGCAACTTTTACCACCAATGAACGCTACAGATGAGGAAGAGAAAGATAAGGTGTCTACTC
CAGACCGTGATCAATACAACAAATCAGATTTTCTGAAGAATATGCTGAGGCCAAATTCTTTGTTATTAAATCA
TACAGTGAAGATGATGTGCATAAAAGTATCAAGTATAATGTTTGGGCTAGTACACCTAATGGCAACAAGAAAC
TTGATGCTGCATACCAGGAAGCTCAAGAGAAGGGCTGGTGGTTGTCCCATTTTTCTTTCTTTTCGGTCAATACC
AGTGGGCAATTTGTTGGCCTTGCTGAGATGATTGGACCAGTCGACTTTCAGAAGAACTTGAATACTGGCAAC
AAGACAAATGGAACGGCTGTTTCCCTGTTAAGTGGCATGTAGTGAAGGATGTTCCCAACAGTCTTTGAAACA
CATCATTCTTGAAAACAATGAGAACAAGCCCCTTACCAATAGCAGAGACACACAGGAGGTCAAGCTGGAGCC
TGGCCTTAAGATGGTTAAAATCTTTAAGGAGCATGTGAGCAAAACATGCACGCCAAGCGATTTTGGTTTCTAC
GAGGCTCGACAAAAGACAATCCAAGAAAAGAAAGCCAAGCAGCAGCAGTTCAAGAAACAGGTTTGGGAAGG
GAAGCCTACTGATGAGAAGAAGGAAGTTTCTGAAGTAGTGGATGTGAAAACACCAAAGCCAGTTGAAGCTAC
AAATGATTTGGTAAAGGAGGAAACAAAGATCTCAGAGAATGGATCAGAAAACCTTTGACCAGATTCCCCCA
GGTGT

>trans_s_2015 NM_001056427|Oryza sativa Japonica Group Os03g0307000 (Os03g0307000)
mRNA, complete cds

AACCTTCTTCCATTTCTTATTTCTTCCACATGTTTGGGATTCTCGTGTCAAATTCCTATCAAACACTACTATTTTCT
TACCCAGATTGCAATTGGGTCGAGAGATTTCCCGTTGTTAGAGCCTAATTCTACTCGTGGGCTTCAAATTTTTCT
CATGGATTTTCGAGTTCGATTTTCGCGAAGAAGCGCATCCAGTTACTGGTGTTTATAATCGGCACCATCGTCCTCA
GTTTCACCGCGGAGAAATGTCGCCATCTGGTTGGAGAGGAAGCTTCATCCAGAGTGGAAGTTCACATTCTT
GAATTGTTTTGACATGGGTTCTGGGTCTGTTGCTTGTGGTGTGAAGGAGGGGGTAAACTCTACTTTTATAAC
ATCCAATCCGCCCATGTTGAGAGAGTACGGCACACAGCACTCGAGACCGCATTGGCCGATGCAATTACTCAGG
GAATGTCTGCAAAGGAAGCAGCAAAACACGCACAGAAAGAGGGAGTGAAGGCAGCAAAGCTGGCAAAACG
ACAAGCAAAACGTATCATAGGACCGATCATCTTCTGGATGGGATTTTTTTTGAAGCTATATACTATGGCGGT
ACTGTCACAGAAGGCTTCCTTAGGGGCTCAGGGACTCTTTTTGGCGCATACGCTGGAGGTTTCATTGGCGAAC
AAAGACTTGGGAGGTTTCGGGTACCTAATAGGAAGTCATTTAGGTAGTTGGGTTGGAGGTAGAATAGGACTTA
TGGTATATGATGTTGTCAATGGAGTGCATTTCTTGCTCAATTTTGTTCAGGTGAAGAAGAAAGTGAAGTCCA
TGAAAAGGAGGCAGCCTATGTCGAAAATGAAGCTTCTCTGACGGCTCACATGTTTACGATGCTCCTATATAC
AACAACCTGGAAGATTTTGAAGAGTCATACCACTATGAATCATCGCCTTCGGATGAATCTGTAGATCA

>trans_s_2016 NM_001160830|Arabidopsis thaliana PRP39; binding (PRP39) mRNA, complete cds

CTTTTTCATTTTTTTTCAATCTTCCCCCAAATTTCTTCTCTCACAGATCCCTCTCCCGATTTTCTTCTCTCGAGA
CCCCTCGCTCAACGTGGCTACCAACCCGAACGTCACTGCCGACTCACTGCACTCCTCGCCAAACGGCTCCCTGCT
CATCGAACTGGTCGTCGACTCGTCGCACCGAACAGCAATTCCTCGGTTCCATCATCTTCTTCATATTCAACTTTC
TGATCACGGACGTTTCTGCAATTATTGGCAACTGTATTTAATCACTGACGACAAGGATTTCTTCTAATCAATA
ATAAGATAATGGCTTCTAGTTTGAAGTGGATCGACGATGAGAGACCCCTTTCAGAGAATCTTATGGGCTACTA

AATATTCTAGTTGTAGCAGTAGTTAGTAAAATTTGCAAATGTGGCTTTGAGAATCTTTTATTTTACTGGCTATTG
ATATTTTTATGTTCACTGATGATTGGCTTATTAATTGAAGTATTCCATAGTTGAGCAATAAGTTCCATTGATA
CTAAACTAAGGAAGCTGGCTATTTTTACTTTAGTTTGTGCTCAAATTTTAAAGCAGTTTGTAGTACTTATTCATTTT
CTATTGAACAGTCTCATAGGGCATATGATCAACTGAAGATGGCATCTTCTTGAATTTTGAAGTCTTTTTTTTAC
TGAATGTGTTGACAAGTATGTTAGAATGAAGGAAAAGCTAGGGAAATTCTAGATAAAGCAGTTGAGCATGGT
GAATTATCCAAAAACCACTTATTTAGGCCTTGATACATTTTGAGGCAATTCAGTCTACGACAAAGAGAATTGAT
TATTTAGATTCATTAGTTGAAAAGGTCATAGTGCCCAACACAGAGAAAGCAACGGTCGTGAGTGCTTCAATGA
GGGAGGAGTCATCGAGCATTCTTCTCGAGAGGAAAGGTGAAAAGCAAGGAAT

>trans_s_2017 Novel Gene

ATGGAGAAGTAAGGTGGAAGAACAAAAGCCTTCCAACACCAAAATCCGGCAATCCATTCTCTTTCACCTTCTCTA
TTTGAATATCGCTCTAGTTTCTTTGCTATACATTCTCAACGCCATGGATCTCAACATGGATCTTAATGCTCCTCA
CTCCATGGGTACCACCATCATCGGCGTCACATACAAGGGCGGTGTTGTCCTCGGCGCCGATTCTCGTACCAGC
ACTGGCGTTTATGTGGCTAATCGTGCATCTGACAAGATTACAAAGCTTACCGACAACGTCTATGTTTGTGATC
TGGCTCGGCTGCTGATTCTCAAATTGTTTCTGATTATGTGCGCCACTTCCTTCATCAACACACGATACAGCTTGG
CCAGCCTGCGACTGTAAAGTGGCGGCAACCTTGTTAGGCTATTAGCATATAACAACAAGGATATGTTACAA
ACTGGCCTTATTGTTGGTGGATGGGATAAGTATGATGGTGGCCGAATCTATGGTATTCTCTTGGTGGAAACAA
TACTAGAGCAGCCATTGCTATTGGAGGATCTGGCTCCAGTTACTTGTATGGATTTTTTATCAAGCATGGAAA
GAAGAAATGAGCAGGGAAGAAGCTGAGCAATTGGTGGTTAAGGCCGTTTCTCTTGCCATTGCCCAGACGGT
GCTAGTGGTGGTGTGTCCTGACTGTTACTATAAATCCGAGGGAGTGACAAGAAAATTCTATCCTGGCGATC
AGCTACCGCTCTGGCAGGAGGAATTAGAGCCTAAAAATTCGTTATTGGACGTGCTGAATGCTTCTAGTCCCGA
ACCCATGAACATATAAAAGCTAATTCAAGGATCTTTGCCAAAAGTTCTTCTGGTAGGTGTTATCTGGTTAGGCT
ATTCTACTTTTCTGGAAACAAGAGAATAACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2018 BT024527|Arabidopsis thaliana At4g14615 mRNA, complete cds

ATCTACCTTTTCTTTCTAAGTTTAATGAAAGCAAAAAAGAAGAACACAGCAGCTCCCGTCTAGGTCTCTCCCT
CGCGCGTCGTCAATCACACTTCTGCGCAGCAGATCGCGTCTGCCAGTCGTCTCCACCCGTTGCCGCCGGCA
AGTTTCTGTATTTTCTTCTCCCTTTATTTCTTGACCCTCACGGTTTTCTTCTACTACACACCACCGCTGTCGTCCT
CAGCTGTTGCCTCTCTCGCCGCCGTGCTGAATTCGTGGTTGAGGGTTGATTTGAAGATTTTCGAGGTGTTGTC
CAAGGTGATTAAGGTTGTTTTAGCACTTTTTGGGCATTCTAGGGTTCACGATCTCTGCAGACAAAATGTCCTC
GATTGGAACATCCAAGGGAATTCTGGAGATCGCCAAGTTTGGGATTTATGTTACTATACCTATCGTTCTAATGT
ACACCTTTGCCAACAATAGCAAAAACCTGCAGAGATTCATGGGCAAATCTTACATAGTGTATCCTCCCGAGGG
ACCAAGGCCTCCGTCTCCAGAAGAAGTAAGAGAGATGGCACGCGAATTGGCTCGAAAGAATAACATTCATCG
ATGATATGTGGTCTTATGTCTACTGCAATTCAGGTCATATTTCTGGGGTTGTCGAGCTATTTGGATTGCATGTG
TTAGGTTTATATAAGTGATTGATGACTATCATCAACACAGGTGGGATAAAGTAAATAAAGGTCAAGCTCAACT
TCCTACCTATACGGTTGTGCTTTAGTAGGGAAACAGGAAACCATTTAACCATAAGAGCTATTGCTCAACTGGG
TGTTATGGTTATGTGATAGATAATGAGATAAATATTTCTGTTTCTATCATTACGATGTCATTGAATTACCAAGT
GTGCAGCATCCTAATTTGTTTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2019 NM_001185758|Oryza sativa Japonica Group Os01g0887400 (Os01g0887400)
mRNA, partial cds

ATTTCCAATCGTTTTGTGAAGTGAGAAAATGGCAAACGCAAATATGCTCTGGAATTCGCTAAGATTCTTGG
ATTTCTGCTCCGATAGCAAGCAACGTCCGATGGGCAAGGTTTCGGTTATAAGTTTCGGTTTCGGCATCATCCAT
TCGAGGGCTCTTCTTCTTCTCAACTCCTTGCGTTTCAATTGCAGCTCCAGTAATGCAAATTCAGTATGTAGTG

GCAAAGAGTACTTAGT TTTGTCCGACGAAGAGCTGATGAAACAGTGCGAAATGGGCACGTTCAAGGCGTCAG
GTCCCGGCGGT CAGCACCGCAACAAGCGCGAGTCTGCTGTTGTTGAAGCACATTCCCACTGGTATCATTGC
TCAGGCTGTTGAGGATCGATCCCAGCATAAGAATCGATCCAGTGCCTTAGCTCGTCTACGTGCTCTCTTGCCCC
TAAAAGTTAGGAACCTGTGGATCTTGAAGATTATTCGCCTCCTCCAGAGCTTCTTCAAATTCTTCCTCCTAAGT
CCACTGTTAGGCCACCGAATGTGGCCCTCAAATTGGTCCTAACAATTCTAAGTTTCTGCCGGGCATGCAAGCT
CTACTGGATCTAATTTCCACACTAGATGGTTCTGTATCAGACACAGCTAAGCTTTTAGGGTTAACTACCGGTGC
TCTTTCAAGGTTAATCCTATCCGATGATGCTCTTAGAATGGCTGTAAATGATATCAGGATGTCCAAGGGTATGA
AGCCGCTCAAGTAGATTGGCAATCAAAACAAGCATAACTTAAGCAGTAATTGACATGTACTACTTCTTCGAG
ATCCTAAGTTTAAATCTTCATCACCACCATGTTAACCATTAAGTAAATGGTGGGAAGCTCAATGAAGTTGTAA
CCGGAGAGATACTACGCAAGCAACTATCTTTCTTACTGTCGTGCTTAACTCAACCGCTCAGG

>trans_s_2020 X92491|*S.tuberosum* mRNA for TOM20 protein

TTCCAAATCGCCATAGGGAAGCTCTGTTTCTCAGCTCGGAGCTCAAATCCTACTTCCTAGCTTCTCGTCGGAA
TCCAATCCCCAACTATGGAGTTTTCTCAGGATGATTTTGATCGTCTTCTCTTCGAGCACACTCGAAAAACCG
CCGAAGCTAACTACGCCGCAACCCACTTGATGCTGATAATTTGACCAAGTGGGGAGGGGCATTGCTTGAGTT
ATCTCAATTTAGAGTGTTTCCGAATCAAAAAATATGATAAAGAAGCTGTTGTGAAGCTGGAGGAAGCTTTG
GCTATTAATCCCACGAAGCATGATGCTCTTGGTGTATTGGAAACGCTCACACTTCACAAGCTTTTCTGACTCCC
GATAGGGATGAGGCCCAAGTTTATTTTGATAAAGCACAGGAGTGTTTTCAGAAGGCACTAGATGAGGATCCT
GGCAATGAACTATATCACAAGTCCCTGGAAGTCGCTGCAAAGGCACCGGGTTCATTTCGGAGATCCACAAG
CATGGTACCAGTCAACAGAGTGCAGGGTCTTCAGGCGGGGGAGCTACTGCTGCTTCAAACCCAAAGAGTTCC
AAGAAGAAGAGCAGCGATCTAAAGTATGACATATTTGGATGGGTATCCTTGCTGTTGGAATCGTTGCATGG
GTTGGAATGACAAAATCTCATGTTCCACCTCCTCCTTCGAGGTGAAACTTTTAGATTCTGGAAGTCAAATCCA
CTCTTCTGAAAAGTCTCTTTGCGGGTATGCCCTCATGGATGTCCCAACAGGCCAGTGAAAAAGAATCTCTTC
GTTGATGCAGAACACCTGCATTCTTCTGTTATTTAACTCATAAGTGTTCCTCATTTCTAGTGTACCTGGGTTAG
CTTTGAGATCATTTTTGTTTAGTTGAATATTAGCCAAAATCTCAAATATGCTGTAGCATAACAGTC

>trans_s_2021 NM_105147|*Arabidopsis thaliana* CP5 (CP5) mRNA, complete cds

CACTACAGGGAGGGAAAAACGTGCGCACCCAATGAACTACCATAGTTCCTGTTGTTGGGCACTCTGCCAAAGT
TGTAGCAGATATAAGCATGTGCTCCATTTTGACCGAAAATCATCATCCCAAAAGAAATCCCTCACAATCTCCG
GAGTTGCATTTTCATATACTGTTCTACTTCTATATTGTGGAGGTCCAGTCTCAGGATCTTCTCCATGCCTGAT
AACTCATATTTGAAGTAGAACGATCCATCATTTTAATCCACGCAGGTCTCCATCTTTTTCTTCAACTAGTTTAC
ATAAATACTCCAAATCATCTTCATTCACAACTCTCAAATCTTCTCCTTCAAGTTCTGTGCAACTGGAGTCAGAA
CAGAACTTGACGGCATGGAAGAAGTTTCTTCTCATCTTTTCCATCAAAGGAGCTAAGTATACTGCTGGGCATC
TGAAAGTTCAGGGAATTGAAGCTCGGAAATGAACCAACAACGAAAAAGAAGTCGACGACGACTTGGAATCA
TCCGAAACTGAAGAATACATCATTTCTTCCCAAATTAGCCCATTTTCGGTTTCCAAGTCCACCCCAACAAAAC
CCAAACCGCACCGCAATCCAAAGAGGAGCAATTAAGATCATAAGCTCGCCAAACACATCAACAATTCTGGGTG
TCCCCAAAATCTCCGCCAAAATCGAAAGCAAGGCCATAAGAATCGATCAAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAA
CCCTCAAATTTAATCAAACAGATAGGCGTCAAAGCACATAGATTCAAGGGTTTCAAGAGAGAAGAGAAAAAC
AGGAAAAAAGAGTGGGTTTTACACCAAATCGATTCCAATGATTGCAAGAAGGTGCAAAGAAGTATAAAAT
AATGGAAGAATTTGAAGATGAACAATTAGATTTAGATATAGTTTGTGAGAGTAAAAAGAAGAGAT

>trans_s_2022 NM_001052711|*Oryza sativa Japonica Group* Os02g0194200 (Os02g0194200)
mRNA, partial cds

CCTTCTTTTTCTTTCTTTCCATATATTCTCTTCTTCTCCTCCTTATTAGGGTTTCCACATTTACTTCCTTCCCTTT
GCTCCATTCTACTTTTCTCCTCCAACATTTCTCTTCTTCTTCCAGTATTGAGTCCTGTTCATTTTCTCTTCAA
TGGACCTTGACGGTGCTCGCAAGAGGGAAAGAACTGAAACCGCCTTGAATGGCAATGGAGGCTTTAAGAAGT
CCAAGCCAGAAATGGACTCCTTATCTACTGGTTTAGGAAGCAAATCGAGGCCTTGCACAAAGTTTTTCAGCAC
TTCTGGTTGCCCTTTTGGCGAGGGGTGTCATTTTGCACATTATGTTCCGGGTGGAGTCAAATCAATCTCTCAGA
TGATCAGTCCGGCACTTCCCCCTGGGATTAGAAATCCAGCTCCTCCCCAATCCTTCCAGATGGTGTTCCTCCA
GCTGTCAAGACTCGTTTGTGCAATAAATTCATTCAGCCGAAGGCTGCCGGTTCGGTGATAAGTGCTATTATG
CTCATGGTGAGTGGGAACCTCGGAAGGCCGAACCCACCACAAGATCACGGTGGAATGGGACCAGGACCAATG
CAACAACCCAGAATGGGTGGTGGCTGGAATGCCCTCCACCACCACCTAACCATGGACCCGCTGCTAGCTTCG
GGGCCTCTGCAACTGCAAAGATTAGCGTTGATGCATCACTTGACAGTCCCATTATTGGGAAGAATGGTATCAA
CTCGAAGAACATTTGTCTATGACAGGGGCAAGGCTTCAATAAAAGAACATGAGTCAGACCCTAACCTGAA
GAACATTGAGCTTGAGGGTACTTTTGATCAGATCAATCTAGCTAGTTCAATGGTACGTGAGTTGATTGCAAAC
GTTGGAGCTGCCTCCGCCAATAATGCCATGAAACAGCATCAGCATCAGCATCAACATCATTC

>trans_s_2023 NM_001054620|Oryza sativa Japonica Group Os02g0741900 (Os02g0741900)
mRNA, partial cds

GCACTGGACGGTAGCGGCAATGGAGATGACTTCTCTGTAGGATCTTTCTTCTCCATTAAGACCACCTTAGGAG
ATGAATTTCAAGGACAAGTCATTACCTTTGACCGCCCCCTCAACATCCTCGTCCTTCTTTTGTGATTTGATACAG
GAGGGTTCTAAGCCAGGACCTCGTAGGAACATAAGGCTGCTGAAGGCCAATTATATTAAGGAATTTTCGTTTT
TGGGACATGGCGAAGATCCTCTTGATCTCAAAAACCTGTTACCTCGATCTCAATACTCTCCGTGCCCCGAGAAGA
ACTAGCTATTAGGCAAGCTGAGGCCGAAGCGGAGAGGATAGGAGTGGGTGTCACTAGCGAGGCTCAAAGTA
TTTTTGATGCCCTATCTAAAACGCTTCTGTTTCGTTGGGACAAGACTGTCATAGTTGTAATGAATGAAGTACGT
GTTAACAGTCCTTACCTACCAGACTCTGTTTCCGGAGGCACCCCTGCTGCCAATGAGCGTGTGAAGAAAGTGC
TTGAATTGGAGAGGAAGCGATTACAAGTTCGTGGTGGTCAGTGATGGTTATTCATCCCTATCCTTCTTTCTGG
GTGACAAGCTAATTGAGCTAAGGTATAACCCCGGCATCTCAGTGTGAGCAATCCCAAGGAATTTGGTGTTTGA
GTGGTAACCTAGTTGAATTTTGGTGTGTTGAGTGGAACCTAGTTGAATTTAGTGTTGCCAAAGTTTTTTTGT
ATTAGTTTATGTAGTTGATTTTCTCCGTTTATGGACTGCACTGCATTGGACAACTTTTTGGGTCCATATTTAA
AGTTTCCAGATTTGCTCTATTGCAAGTATGAAACCTGAACAAATTCAAATGTAATAACTGTCCTTATTTCAATT
GGTCCTGATGTATTTGAAAATTAAGTTTTGAAATAATTGACTCAACCATCTAATGACCTAA

>trans_s_2024 NM_001052153|Oryza sativa Japonica Group Os02g0105200 (Os02g0105200)
mRNA, complete cds

CAGACAGTATCACAATGTGAACATTAATGTTGCAGTCCAGACTGACAACGGACTCTTCGTTCCGGTCATCAGG
GATGCAGACAAAAAAGGTTTATCTACTATTTCAAACGAGGTCAAGAACTAGCTCAGAAAGCAAGAGATAAC
ACCTTAAAACCAGAAGATTATGAGGGAGGCACCTTTACTGTGTCTAACTTGGGAGGTCCATTTGGAATCAAAC
AATTTTGTGCCATAATCAACCCTCCACAGTCGGGCATTCTTGCTGTTGGATCTGCTGAGAAGAGGGTTCATACCA
GGATCAGGCGCTCAAGGATTCAAGTTTGCTTCCTTCATGTCTGTTACACTGAGCTGCGATCACCGCGTTATCGA
TGGGGCAATTGGTGCGGATTGGCTCAAAGCATTCAAGGGCTACATCGAGAATCCTGAATCAATGTTGCTGTA
GATTGATTGATTTACCATTTTCATAACAGAAAAAAGGATTTTGTCTCATAAGCAATCATGTGGTGGGAAGA
TATGAAATACGAACTCAGCTCTTCTTTTGAATTTCTATTTTTCGGCTTCAGTTGTATCCTTACAGTCTCCTTCTTG
GCAACCAAAGGAGATGGAGTTTGCATATAGACTAAAGGGAATAAGGTGATCATCGTTGAGAAATTAGACTTC
AAAACGAATGTAGCTTGTAATTTGTTTTCTATTTTTAACCAAGCCACATACTTTTCCATTGGTCCATTTGCCAG
ATCAAAAAAAGATAGACGAAGAGAAAATTTTGTCTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2025 NM_180297|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein / ankyrin repeat family protein (AT3G23280) mRNA, complete cds

AATCTACTTTCTCAACTCTCAACTCTCCGTGGCTTCATAAGTACGCCCTCAGTTTCTTGTAACCAAAAAAGC
GGAACACCATTTTTCTTTATTTATAGTTCAACCCCCCGTTCTTTTTGAGAACGATCGTTTTGCCACATTCTA
AAATTGCTCAAGATTCTACCTGAAACCAACGAGAGATTTCAGAACTTCTCAATTCTTCCATTTTTGTTCTTCTC
CTTTCAAATCATTTTTTTTCTTTCTTTGTTGGTGTCTGGATCTTGTATGGGGCAGCAACCATCCAAAGATG
AGCTTGTGTATCAGCGGGCTAGCAACGGCGATGTTGAAGGGATTAAAGCCCTTGCAGCAGAAGGAGCTGGCC
TTGAGTGGGTTGATAGGGAGGGAAAGACTCCGTTGATTGTTGCATGTACGAAACCAGAGCCTTATGATGTGG
CGAAAACGTTACTAGAACTTGGCGCCAATGTCAATGCGTTTGACCAGGCCGTAATGGTGGAACGCCGTTGCA
TCATGCAGCTAAAGAGGATTGGAAAATACTGTTAAATTACTTCTTTCTTACAGAGCAAATACTTCGATAATTA
ATGATGCTTGCCAACTGCATTGGAAGTTGCCAGAGCAGCAGGGCACAAGAATGTTGTTCTGTCGATTGAGA
ATCATATTTGTATATTCTCTGGTTGGATGCGGGAATTTATGGGCCGGAGTTTCTTGAAGTACTAGCTCCTCAT
TTCCTTTCACGGAAAGTCTGGGTAGTTATTTACCTTGTGGTTCTCGAAATCCTATGAAGCCTACTAAGTTGGA
GCTTGCCATATATGCTAGCTTGCAGGATGCCAGCCTCGTCTAGTTATCCCATTTGTGGAAATCATATTTGGAGG
AACATAGGTTACAGGAATCTGATCCGTCTNGTGTCTATTGTGACAACACTCCAAACCT

>trans_s_2026 L33792|Senecio odorus lipid transfer protein mRNA, 3' end

GCAAATGGTTTATATACGTTATATGAAGAAGGGAATATCATACACAATTGGTGTCTCCATATTCTTTGATCTCT
TTACTAAGAGTAGGAATTCATGTCGTTTGGAGTTCTTATAGCAACATGCTTTTCTTAACAAGAAACCGAAGGAT
TCTTCAACAAGGAGTTGATTTCAAACAAATTGATATGGAATGGGAATGGGATAATTTCTTGTTACTTGAAGCTT
TAATGACTTCCATGATGGTTTATTTGTTCCCTTCACTTGGAAATCTTCTCTTTGGAACACAAAAGGGTTAATCG
CACTTCTGATTCTCCATATTGTAATTGCAGAGCCATTGTTTTACTTCTTCCATAGATTATTTCACTCCAACCATTA
TCTTTTACTCATTACCATTCTTTCATCATTCTTCTCAGTCCCACAGTCTTTTACAGCTGGAAATGGGACAGTT
CTAGAACATCTTGCGTGGAGTATCGTAATTGGAGCACCAATTGTTGGAACATTTCTTCTAGGATATGGATCGA
CTGCTACGATTGCTTGTTACGTTTTGGTATTCGATTTTCTCAGATGTTTAGGGCTTTCCAATGTTGAAATTGTCT
CACATCGGTTGTTTGATGCAATCCAGTTCTTCGATATCTTCTTACACCCCAACGTACCATACACTTCACCATA
CAGAGAAAGAGACTAATTTCTGCCTCTTCATGCCTCTCTTGATGCTATTGGAAACACACTTCATGAGAATTCA
TGGAAATTACATAAGCAGAATAGCTTAAATGCAGGCAAAAATGGGAGAGTTCCTGATTTCTGATTTCTAGCCC
ATGTGGTGGATGTGACTTCATCAATGCATGCTCCATTTGTATCAAGATTCTTGCTTCACGTCCCCCTTTGTACAA
AATTGTCCTTGTTCCCATCTTGGGCCGTTGCCTTCATTGTATGCTCATCAT

>trans_s_2027 NM_001067499|Oryza sativa Japonica Group Os08g0139000 (Os08g0139000)
mRNA, complete cds

AAAACGAAAAAGAGAAAAAAATCTGTTTTCTCGCCTCTTCCAGAAAGGGTTTAGTACCTTAAACCCCAACC
CTATGGCTCTCAGATCGGCGGGCGGCATCGGCTCCTCGGAGTTTGAGGCAACTCATTACAGGTACCTCAACTCG
TACTCTACCGATAATCTCCAGGCTATTCATGATTGGGAGAAACGGAGCCCAGCACCAATTCTTTCCTTTTCG
GCCGCTGTTCTCTAGCGCTTCTACTTCGAGTTTCGTTCCCCCGCCGCTCCCTCCCTCCGCTCAGCAGCGTGAGG
TGGCTGAGCCTAGTACTAACCTTTTCGTTCCGGCTCAGTAAACGCACTACTACTGAAAACTTCATGAAGCC
TTTTCAAAGTTTGGAGAAGTTGTTTCATGCAAGAGTTGTAAGTATCGAGTGACTGGATATTCTAAAGGATTTG
GCTTTGTTAAATATGCCACTTTGGAGGATGCGGCTAAAGGCATAGAGGGCATGGATGGCAAGTTCCTGGATG
GTTGGGTTATATTTGCGGAGTATGCAAGGCCAAGACCACCTCCTGAGAACAACAATGGTTTTGCCCCATATGG

CCGTCAGTGACTTGATAATCTTTGCGATGAAGGATGCTTCCATATCCATTGAACTCTCTTGATCTGCAAAATGG
CACTGAACTTTATTTATATGATTTAGGTTCTTTCTTCAACGGAGGTTCTGTTCTTCTTCCGTTGCTGATAACCAT
TTTGTCTGCGGAACTGTAGATTAGCCGCAGGTATTGAGTTGAGCATATCTGAATTGAGACAGCAGCATTTTG
TAGGCACTATACGTATGATCCATTTTTCAAACATTTAGTCAAACTATTTTATTTATATATACGTTTCGCCAATA
AACGTATTTGCACTGCGTTTTTGTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2028 AY178315|Trifolium repens microsatellite agr1030 sequence

CTACAGCTGCTCAGCTTTTGAACATCCTTTGTGAAACATGCTGCACCTCTTGAAAGACCGATTTTAGGTTCT
GAACATTCAAGATCCAACTCCAGGAATTACAAATGGAGTAAGAACATTGGGTATTGAACAAGGAAGGAATCCC
AGCTTCTTGATTCTGATAGATCTGCAGCTCATTATCTAGACTCCCAACAGCTGCTTCCATTCCAGTGAAATT
CACATTCCAAGGAACCTATCGTGCCCTGTTTCGCCCATCGGAAGCCCTCTGGTGAAGTACGATCGCCACAACA
TCCTAGTGGAAGAATGTCTCCGTCACCCATATCTAGCCCTCGTAACATGTCGGGTGCATCTACTCCTCTCACAG
GAGGAAGTGGTGCCATTCCACATCAGCATCTCAAGCAATCACTGTACCTTCAGGAGGGATTTGGGAACTTGCC
AAAACCTTCGATGGCTCCTTATAGCAATGGTCCTTCCTTTCACGATATAAACCTGACATCTTTCAGGGGATTCA
GCCAGGCTCACACATCTTTCTGAGCTTGACACCATGAAACCGATTTTCTGGGCAAGCAGTTTGAAAGCCTG
CCTGGGAATTGTATGATGGGCAGGCGTCTTGCTGATCGTGTTCAGGCAGCTGCTGAGTGATCACATAAC
AACTCCCTCCCTGGATTTAAGTCCAACTCTCTTTTGACCAACCGCAAATAGTCAGAATTAATACTGTTTGA
ATTTACGGACCCATCTATGAGAGGAAGCTCACAAGAGGGTCCGTCATCTTGACATATTGAACTGAAACAT
ATGGTTTAAACATGAAGAACTGAGCTGTGTTGTGTTGTAAACGACTGCAACAAACAGATCTGTGCAGTAACG
TCTGACATCTTGAACTGTAGAACTGGAGACAGCCGATTTACAGTCACATGATGTACAA

>trans_s_2029 AF521301|Brassica napus phosphatidylinositol synthase mRNA, complete cds

TCAGATTGAAGCTTTTCATATGCAAGATTCCGCCATTGGAGCCCGACTTACTGACGTTCTCATCAAGTTGGTCT
CCTCGATTTCTCAAACCCATTACCATCTCTCCGTTCTCTTTTGCAGCTTCTTCCCTCTTGTTCTTCTTTCTC
CTCTCCGACTGTTATCCGTTGCTTGTCTCCACTGTTATGCAAAGAATCCGAATAAATAATCGATAAAAGGGT
AGCCAGCCAGTCAAGGGTTTTATTTATCTGCCGACCCGGGCCAGCCTTTTCCCCTTCAGGAGTTATAAATTGGT
TTCTAGAACAGTTCATTTGACTCAGTTTTGAAGTCGTTGAGAACTTCCATGGCTGATAAGTTGGTGAGGAAA
CAAAGTAAATTGTCTGTGTACCTTTACGTTCCCAATATTATTGGTTATATAAGGGTTCTCATGAACATTGTTGCC
TTTGCTCTATGCTTCTCAAATAAAATAATTTTCTCAGTCCTCTATTTTGTGAGCTTTGTATGCGATGGTATAGATG
GGTGGTGTGCTCGAAATTCATCAAGTTTCACGTTTGGGGCTGTGCTGGACATGGTAACAGACAGGATTAG
CACTGCTTGTCTACTAGTAATTCTATCCCAAGTATACAGGCCTGGTTTGAATTCGTATCATTGCTTGCTTTGGA
TATTGCTAGCCACTGGCTTCAAATGTACAGTACCTTTTGTAGGCAAAGCCAGTCATAAAGATGTCAAAGAC
AGCACCAATTGGCTGTTTAAGGCATATTATGGAAATAGGACATTTATGGCTTACTGTTGTGTGTCATGCGAGG
TTCTTTACATTATTCTATTTCTTCTGGCGGAGAAGCAAATGAGAATTTGATGGATGTTATATTACACTCCATAC
AACAAAAATCATTCCTCTCACTTTTTGGTGTAATTAGCTTGGTCGGATGGGCA

>trans_s_2030 XM_002298095|Populus trichocarpa 2-oxoglutarate-dependent dioxygenase
(2OGox4), mRNA

GAGGTTGTAAGGACACAAAATGGTTTGTGAAGCAAAATCCAAAGTGGTGATTCCCACAATAGATTTGTCAA
ATTAGAGGTAGGCACAAAAGAATGGGGTTTGGCATGCAAAGAGATGAGATTTGGTTTAGAAGAATTTGGTTG
TTTTTCAGTGGTTTATGACAAAGTTTCTTTGGAGCTTCATACTCCATTGTTGAAGCAACAAAAGAGCTTTTCA
TCTCCCAATTGAAACAAGAATGAAGAACACAAGTGAAAAGCCTTACCATGGCTATTTTGGTGGATACTCATTT
TTCCTCTCTATGAACCCATGGCTATTGATAATCCAATTCAGCTAAAATCAACTCAGAGTTTTGCCAATCTCATGT
GGCCTACTAGAGATAACAATCACTTCTGTGTAAGTGTGAACGTTCTCAACATTGGTGGCGAAATTGGAGAA

>trans_s_2031 NM_100835|Arabidopsis thaliana ATRAB11C (ARABIDOPSIS RAB GTPASE 11C); GTP binding (ATRAP11C) mRNA, complete cds

>trans_s_2032 AB376097|Hevea brasiliensis pd1 mRNA for Prephenate dehydratase, complete cds

>trans s 2033 AB158511|Zinnia elegans ZeGSH2 mRNA for glutathione synthetase, complete cds

[illegible]

GGTGACAGGTCTGTGAAGAGATCAGGCGAAGTACCAGGTGACGGTTTGTCTCATTACCAATTGCCTTGTGCTGGGTTATTTCTGAACTCATTGGAATCAAGCATGTGAGTCATCCTCCATATTTAATGAATTAGTTGATCGAGTGAGCATGGATGGGAAGTTTCTACAGGAATCACTATCCAGAACTAAAAAGGAGATGCTTTTACGTCTAGACTTTTAGATATTCATTCCAAGATGCTTCAGATTGACAAAAAGGAGGAAATCCGCTTGGGTTTACATCGCTCAGATTATATGCTTGATGATAAAACGAAATTACTTCTTCAAGTAGAGCTCAACACCATATCATGCTCATTTCTGGACTTAGTTGCCTAGTCAGTGAACCTCATAGGTTTCTACTTGGTGAATATGGAGAAGTCCTCGGATTGGACTATAAAAATATTCCTGAAACTATGCTGCTAACCAATATGCTGAGGTACTGGCCAAAGCTTGGACCGAATATAATGACCCAAGTGCTGTTATTTGTTGTGATTCAAGCTGAGGAACGAAACATGTATGATCAACTCTGGCTTCTGTAACTTGAGAAAAAGATATCCACTTTTATCGGATCTACTTTATAAAGCATTGATCAATTTTCTA

>trans_s_2034 DQ372581|Gossypium hirsutum ribosomal protein S7 gene, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCATTTTTTTTTTATTGAAGTGCATTTCTCAGATCAGCTCCCCGAGTCACTAGA
AAGAGGGTGAAAGGCCCACTACTTCTGAATTCATGGCCTCTTTTTGATTGATCTCCCTTCGTATTCATTTTTCT
CTGAGGCAAAAGAGAAGTCATACAAAGTTCGGTCTTTTCATGCAATGCATAAGGGGCGGGCCTCCTTCATCAA
GCCTATCCTCCAACCTCAATGAATAATGAATGAAGGGAGGAGTATGAGGAAGGCTGGCTTTCTATATTCAGACT
CCAAATATCAGAAGGCGGAGGCTGGGTCAAAGCATATCTGACTTCATAATCTGACTGAATGAGGAATAAATA
TTCTATTATCTATTATGTGGTCTCTACTTTACCACCATCTGAAATGCGCGAACTTCGATTGGTGGAAGCCAGTC
TATGAAGATTCTCTCTTTTCTTACGTGCAATCCCCTCTTCGGTAAGCATCCAGTATCTCAGCAAATAAACATTT
CTCTAAGCTTATCCTATAGCTTATACGTCGTTTGAAAGCTGCTTCAAGGATCCAACGAATAGCTAAGGTTTGT
GACGATCCCTGGCTACAATCCCAGGGACATCATAAATAGTACCTGCTACTCATCATTTTTTGACTTCGCATATG
GGCTTTATATTCTCTACGGCCTCAACCATCAGTTTGATTCCATCGCCTTCAGTTTGAGCTAGGCGATTCAAAGTT
TGATAAACAATAGCACGAACTCTCGTTCTTTACCTTCTTTCATGAGAAAGTTTACCAACTTCTTGATCAATTCTT
TTTGCTCACCATCCAAGCCCCCATATAGATTAGAATTGGAGAGAAATGATCAGCCGCTTTTGATGACGAGGC
CGAGAAATATATATTACGCAATAGTCACTGTCCATTTTATCAGCCATCTT

>trans_s_2035 EU583457|Betula pendula histidine kinase 3 (HK3) mRNA, partial cds

ATTCACTGCCGTTTTACAAACGGCTCGACAAGTGAGTATAACAACACACAACAAATTAAGAACACTTCCATCA
GTGCAACCTCAGAATTTAAGGGTATGAGAGCCTTAGTTGTGGACCATCAACCCATACGGGCCAAAGTATCGA
GATATCACATCCAACGACTTGCAATAAATGTTGAAGTCTTATCTGACTTGAATCAATGTCTATCTACCACGACT
ATTAGTGGTTCGACTGTCAATATGATTTTTGTTGAGCAGAAAATTTGGGATCAGGGTATGAGCACATCGGAAC
ATTTTATCAAAAACCTTGAGAAATCTTACGCAGTTCCTCCCAAACCTATTTCTCCTTACTAGCTCCATTAGTTCTTC
AAAAGCTAGCACTATGATCTCTGATGTATTCACTCCCACTGTCATCTTAAAGCCATTGAGGGCAGGCATGCTTG
CTGCCTCTCTACACCGAGTCATGAGTGTGGGGATCAAGGGTAACCCTCGCAACGGAGAGCTTCTGTCTCTC
ACTCCGCAATTTACTTCTTGGTCGAAAAATTCTGGTAATAGATGACAATAAGGTGAATCGTATTGTCGCTGCTG
GTGCTCTACAGCGATATGGAGCTGATGTGGTATGTGAAAACAGTGGACGAGATGCAATCCGACTGCTTACGC
CACCCCATCATTTTGATGCTTGTTTCATGGATATTCAGATGCCAGAAATGGATGGCTTTGAAGCTACAAGAAGA
ATTCGGGAAATTGAACATCGAATCAATGATGGTATCCAAGTCGGAGAACTATCAAAGAAGCATACGAGAAT
ACGTGTTATTGGCGTGTACCCATCTTGCCATGACAGCAGATGTAATCCAGGCTACACATGAGGAATGTCTTC
GATGTGCGATGGATGGGTACGTTTCGAAACCATTTGAAGTTGAGAGACTTTACCGAGAAGTTTC

>trans_s_2036 XM_002893119|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata exostosin family protein, mRNA

AACTTGTAATAAACATAAGCAAAAGAGAAGTTTGAAGGAGAAAAGGAAGGAAAGAAAAACCCCTTCAAATTT
TCTAAATTTGGTTCGTCCATGAGAGGGGAAGAGACAGCGAGAGTGAGTAAGAAGCCGAAGAATGGCAAGTGT
GAACAACAAAGGGAGACCATTCGGAGCTCACCATAATCCTCCGCTTGCCTAGGTTCGCATCAGATCGGGGCT

TTGCTTCTAGTTTGCACCACCTTCTCCTTACCCGTGCACTCGATCGACTGCTTGTTCCCTCCTCCCACAACCCCT
TCGATGGATTCCGTCAACCCCACTATGCCGTCCAATCGAACAACGATGGATCCATTTTCGTGGCCGGAAAGAGG
GTACGGTTCCTCTCTCTCAAGATTTATGTCTACGACGAGACCGAAATTCAGGGGCTCAAAGCTTTGATGT
ATGGGAGAGACGGGAAGATCACTGCTGCTGCTTGTGTTGAAAGGCCAATGGGGGACTCAGGTGAAGATTCAC
AGGTTGCTTCTACAGTCAAGATTTTCGGACAAGAAAGAAAGAAGAGGCAGATTTTTCTTTGTGCCTGCTTATG
TTAAATGTGTTAGGATGCTAGGTGGTCTCAATGACAAGGAGATTAACGAAGCTTATATACAGGTTTTAGGTCA
AATGCCGTATTTTCAGGCTCTCAGGGGGTCTGACCATATTTGTTTTCCCAAGTGGTGCAGGAGCTCACTTAT
TTAAATCTTGGGCGACTTACATAAACCGTTCATAATTCTTACTCCTGAGGGTGATCGGACAGATAAGAAAGA
TTTTAGTGCTTTCAATACATGGAAAGATATCATCATTCTGGGCAAGGTGATGATGGAATGACTTCACATGGA
AATAAAATAGTCCAGCCTTTTGCTTGTCTAAAAGGAAGCACTTGGCAAATATTTAGGACGTGATCAAG

>trans_s_2037 FJ664250|Solanum tuberosum cultivar Desiree nuclear cap-binding protein (cbp20)
mRNA, cbp20-4 allele, complete cds

CCCATATCGATTTGCCTTCTCTTACTATTGCTCCAAAATCGTCCACCACTGGCCGCGCGCTCCAGGTCTGAAA
GGCTGCCGTTGCCGTTGGTTGACGCTCGACAGAAGCTTGTGTTTCCGATTACCTTTTTCTCAGCGTCGAGAA
GAACGCCCAACTCAGCAAGCATCATTGTTGTGTCTCTGGTGCGAATAGAGTCAGTTGAACGAGCTTTCATTTTA
ACCGCTCTAATCTCTGCTCCTCTGCTTCTTTCTTTTCCCTTCTGTTCTTCGCCTTGAGTAATTAACGTCCCACT
TCCCAACACTTGATATATAGTTGCTCTACCTAACTGGGTTTCGAGTTTTGGTCCAGATTTTGTGTTCTAGGGT
TCATGGCTTCGTTGTTCAAGGACCCAACAAAGCTATCTGTTTATCGGGATAGAAGATTCATGGATCACAAGAT
GAATTTGAAGTGGCACTTCAGACTTCAACCACTGTTTATGTGGGAAATATGTCCTTTTATACGACAGAAGAGC
AAGTATATGAGCTTTTTCTCGAGCTGGAGAAATTAAGATAATCATGGGTTTGGATAAGAATTCAAAAAC
GCCTTGTTGGCTTTTGTGTTGTCCTATACTATTCTCGGGAGGATACCGAGGATGCTGTTAAATATATAAGTGGAA
CAATTCTTGATGATCGTCCCATCCGTGTGGATTTTGATTGGGGATTTCAGGATGGCAGGCAATGGGGCCGTGG
TCGAAGTGGTGGACAGGTGCGCGATGAATATCGAACAGACTATGATCCTGGTAGAGGTGGCTATGGAAAGTT
GGTTCAGAAAGAGTTGGAAGCACAGAGGCAGCTTGTGGATTATGGTACTGGTTCAGGCTCTATGGCACC
AGTTATGACTCAGTATGGAAACACGTTGTTCTGGTACAGTGCAAATGTCGTGTACCTT

>trans_s_2038 AF451951|Arabidopsis thaliana class III peroxidase ATP32 mRNA, complete cds

AGGAACTTGCATATATATCTCTTTCAATATGATACCAACGATAATGTCGAAATGGATGAGTTTAGTGAGCATTG
TGTTGTTGGTGGGAGTCAGTTTAAGGTTTAGAAGTGTAATGGGTAAAGTATGGGATATTACTTGATGAGTTG
TCCCTTTGTTGATCCTATTGTCAAGAATACTGTCAACAGAGCTCTTCAAATGATCCTACTTTAGCTGCTTCTCTT
ATTCGAATGCATTTTCATGATTGTTTCGTTGAGGGATGCGATGGATCAATATTAATTGATTCGACAAGAGACAA
CACAGCAGAAAAGGACTCTCCTGCTAACCTTAGCTTACGAGGCTATGAGGTTATTGATGAGATTAAGGAGCAA
CTTGAACGCCAATGTCCTGGTGTGTTTCTGTGCCGACATTATCGCTATGGCAGCTAGAGATGCAGTCTTTTG
GGCAGGGGGTCCATTTTATGAGATACCGAAAGGAAGGAAGGACGGAAGTATGATCAAGAATCGAAGACACTG
TTAATTTACCTTCTCCTTTCTTAAATGCTTCTCAGCTTATTAACACTTTTGCTCAACGTGGCTTTACTCCTCAACAA
ATGGTTGCACTTTCCGGAGCACATACATTGGGAGTGGCAAGATGCATATCATTCAAAGGGAGACTTGACGGC
AACGACCCTCTTCTAAGTCCAACTTCGGAAGAGCATTGTCAAGAACATGCAGCAATGGCGATAATGCGCTAC
AAACATTTCGATGCCACGCCCCGATAGCTTCGACAATGTCTATTACAATGCACTGTCGAGAGGCGCTGGAGTTTT
GTTTTAGACCAAACATTGTTTGCTAGCCCTCGCACGAGAGACATTGTGACAGCCTACGCCATGAAACAAGCC
CTGTTCTTTCTGGACTTTCAACGACCATCACAAAATGGGGTTACTTGATGTGAAGGAAGG

>trans_s_2039 XM_002311118|Populus trichocarpa actin depolymerizing factor 4 (ADF4), mRNA

AATCCCATCACCATCATCATCTTCCCTTCACCATTTCTCTCTATCTTCGTTTTTCATCTTCTTCCCTTCTTCTTGC
CCTAAATTTTCTCACTCTTCTCGCCTTTTCTCCGCTTCTCTCCCTAAAATGGCAAATGCAGCATCAGGGATG
GCTGTGCATGATGATTGCAAACCTTAGGTTTCTGGATTTGAAGGCAAAAAGAACCTACCGTTTTATAGTTTTCAA
GATTGAAGAGAAGCAGAAGCAGGTTGTGGTGGAAAAGCTTGGTGAGCCGTCTGAAAGTTATGAGGACTTCA
CTGCCAGCCTCCCTGCTGACGAATGCCGATACGCAGTCTATGATTTTGATTTTGTCAGTGAAGAGAATTGCCAA
AAGAGCAGGATTATATTCATTGCATGGTCACCTGATACATCAAAGGTGAGAAGCAAGATGATTTATGCAAGTT
CCAAGGATAGGTTCAAGAGGGAGTTAGACGGCATTCAAGTGGAGTTACAAGCAACTGATCCTACTGAGATGG
GACTTGATGTTATCAGAAGTCGGTCCGGCTGAATCAAATGCTATGCAACGGCTGGTGGTATTACGCTAAAAT
GTTCATAAGAATGTGGGCTCCAAACATGCTCTTTATGAATGCTATATGATGATAATATTGGCTTGTTCTTAAAA
AGTGTTACCTAAAAGCTTTTAAGGATGATTGGTGGTGGTGGCTTTGGTGGATTTTAGTTGGATGGATAATTTT
ATATGCAGGTAAATATGGGATCAATGCCAGTTTGGTTTTATCTGGACAACCACTCGGAAAAATTTTCAATGAT
TTTCGAGTTTCATAGGTTTCGTTCTTTTTTCTATTCAATTCTTCTGGTGATTTTTCATCTGTGTGATGATGATCCT
ACAAGCCTTATGAATTCAATATGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2040 AF023140|Thlaspi goesingense imidazoleglycerol phosphate dehydratase (THB1)
mRNA, partial cds

GGGACCGCCGTGGTTGGTGAACCCCTTCCAATGGAGCTTTCGGCATCTCCCCGCTACTAAGCTCTCCCACTT
CGCTGATGCCACTCAAACCCAAATTTGGGTTTAGGGTTTCTCAGATTTCTTCATCGACCTTCCATCTTCACTCTT
CTGTTTTATCTCTTAAACCAATTACAAAATGGAATTTACTAGGACAGTATGTTCTGCTTCTTCGTCTGAACGAA
ACGGGTCACCGGCGGCTATTTCTCAACCGCTTCAGGGCCTCGAGTGGGCGAAGTGAAAAGGGTCACCAAGG
AAACAAATGTATCTGTCAAGATAGACCTCGATGGTTCTGGGATTGCGGATAGTAGTACTGGGATTCCATTTCTT
GATCATATGTTAGATCAACTTTCTTCACATGGGCTCTTCGATGTGCACGTAAGGGCCACAGGAGACATCCACAT
TGATGATCACCACACTAATGAAGATGTTGCCCTCGCTATTGGATCGGCTTTGTTGAATGCACTTGGTGATCGG
AAAGGAATTTACCGGTTTGGAGACTTCTCTGCTCCTCTTGATGAAGCACTTGTACACGTATCACTAGATTTATCT
GGCAGGCCACATTTGAGTTATGATTTAGAGATACCTACTCAGAGAGTCGGAACATATGATACCCAGTTGGTGG
AGCATTTCTCCAGTCTTTGGTGAATACTTCTGGTATGACTCTTCACATTCGACAGCTTGCTGGAAAGAATTCTC
ATCATATTATTGAAGCCACGTTCAAAGCCTTTGCCAGGGCCCTTAGACAAGCAACAGAGTATGACCCACGTGCG
TCTTGGTTCGCTGCCAGTTCAAAGGGGTTCTATCACGTACTTGATTTGGAGAAAAGAACATGCCAAGTTAA
AACTTGTGCATACGGGATTTTGATTGCAGCAATGTTTCATATGAAAGTGATCACCGCTG

>trans_s_2041 AY173934|Cucumis sativus ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast
gene for chloroplast product

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTAATTCCTATTTCTATTCGAAATAGAGTAAAAAATATGTTGT
AAGAATCCTAAAAAAAAGTTCCATTCGAGATTGGACTAAGAAAGGGAAGGAAGAAGGCGAGTCAGTATGC
TAATGCCTCATCCTCAATAGTTAGGTTCCCATAGGTTATTGTCCCAACGAATAAGTAATTGTAGGAGTGAAAGC
TTCGTATAATTCAAAAAAGCAAGAGCAGCAAGTCCAAGTAAATAAAATACGAAAAAAAAATACGTAATTTTTTT
AGGATTAAACAAAAGGATTCGCAATAAAAGTGCTAATGCTACAACTAGTCCATAAATTGTTAAAGCTTCCAT
AAAAGCCAGACTAAGCAATAAAGTACCTCGGATTTTTCCCTCCGCCTCGGGTTGTCTCGCGATCCCTTCTACAG
CTTGCCCCGACGAGTACCTTGACCAATCCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCCGACGGCCAACCCAGCAGCAAT
AACGGAAGCGGCAGAAAATCAGTGGATTCATGATAAGTTCCTCACACCAAAAGAAAGAAATGGTTAATGATAC
AATCAACCAATGAATTATACTTATTATTCATCACTAAGATTTATCCAATAAAAATTACGAATTGAAGTAATC
ATCGTATTGCTTTGTTTAACTACTTCAATCTCTTTTTTAGTTCCTATCCATCCACGTAGTTTTTGTGAATCCAT
ACGACTTTTGTTCTTCATTTCTTTTAAAGCATTCTTTGAATTCCTCATTGTTTTCTTGATTTAATCTCTCTATTCA

TTCAATATTGAATTCAAATTACATTACAGCCGAAACAGAAGGACTTCCATTGTAAGCCCTATCTAAATTCACA
GTAGTAGGGCGGATTAGATATATCTTTAGTTCCTATATAACTAGTTAATAT

>trans_s_2042 AB286178|Nicotiana tabacum NtVDAC3 mRNA for voltage-dependent anion
channel, complete cds

ACTCATTTCCAGCTGCTTTGGGGAAGAGGACTATCGTTTCCCTTTCAGGATTTCCATTTCAATTCATTCTTCTGTT
GAATCTTTCACCTTCCATTTCAAAAATCATGGGAAAGGGTCCTGGTCTCTACTCTGATATCGGCAAGAGAGCTA
GAGATCTTCTGTACAAAGACTACCAGAGCGACCACAAGTTCACCATCACCACTACTCCCCACTGGAGTTGCT
ATTACATCTTCAGGAACGAAGAAGGGTGACCTGTTTCTTGCTGATGTTAATACTCAGCTGAAGAACAAAAATA
TCACAACCGATATCAAAGTCGACACAAGCTCCAATCTTGACAACCATCACTGTGGATGAACCTGCTCCTGG
ATTGAAGGCAATTTTTAGCTTCAAAGTCCCGGATCAAAGGTCTGGTAAGGTGGAAGTGAATATCTCCATGAT
TACGCCGGAATCAGCACGAGTATTGGATTGACAGCCAATCCTATTGTCAACTTTTCTGGTGTTGTTGGATCAAA
TCTTCTTGGCCTTGGTACCGATCTTTCATTTGATACAAAAGTGGAAATTTACCAAAGTCAATGCTGGACTGA
GCTTTGCCAACGCTGACCTAATTGCTTCTTACCTTGAATGATAAGGGTGATACGTTGAGTGCATCCTACTAC
CATACAGTGAACCCTTTGACTAGCACCGCTGTTGGTGCGGAGGTTGCTCATAGCTTTTCTCCAATGAGAACAC
CATCACAGTTGGCACCCAACATGCACCTGATCCACTGACCTCAGTGAAGGCTCGGGTGAACAATTTGGGAAG
GCAAGTGCTCTTATCCAGCACGAGTGGCGTCCAAAATCATTCTTCACTGTATCTGGCGAGGTAGACACAAAAG
CAATTGAGAAGAGTGCAAAAGTTGGACTAGCTTTGGCCCTGAAGCCATGATAGGAAGAA

>trans_s_2043 XM_002880065|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata N-terminal asparagine
amidohydrolase family protein, mRNA

GATGAAAAACCCGTTTTTTTCTCAAACAATTCATTGCAAAGTTTCCACTGATTGGTTCTTTCTCCTTGCACAAA
TTTCTTCTCTTCTTCTTCTTCTCCCTCTCCCATTTGTTCTTCTCTCGTCTATCATCTCCTTCAAGCTTCCATACCAGA
ACCATGATTTTCGTCGATGGCGCACCCCTTCACCCTCCAATCATCTTCGTCAAATAAGGGCGCTGATGTCTTGTA
TGCTTTAATGGAGTGCCCTTATCTTGTTGATGCGACAAATTTGTTCAAGGGTACTCCTGAGATAAGGTTACAG
TTTCTGAAGAGTCTGGTGTGAGAGATCAACTATGAGTAAATGGGTTTATGTATTTAGAAAGAATATGCCAC
TGTAGATCCTGCATTAGTGGAATTTGTTGGCACTGATGAAGCAACAACCTGTGTGGGCATAGCTATTCGGAAT
CGAAAAAATGGAATGACATCTGTTGCACATATGGATTTCCAGACATCATCAATATTGCCCTCTCACAGATGTT
ATCCCTAGTTGTGCGATCCCACTGCTGATGCTGAGTTAGATGTTCAATTTAGTTGGAGGTTTTGAAGATGTTCTAC
TCAAAGAAAATAATAATATTACTCGGACAGGAGATCGTAAAAAGATGGAGGGCTATTCGTTACCGCTGTGTA
ATAAAATTATAAGGAGTTTGTGGACAAGACCCGAGAAATTTATCTTCAGACTCTTTGTATTCTTCTGCATAAC
ACTCGGAGAGACTCTCACGGAAATCTTACCCTATCTTAATGGATTGCGGGTGAACATCTGACGGATCTGT
GTTCCCCGCTAGCTTTGATAGTACTTCAAGATGCCAGATGAAGTTGTTGCGAGAAATCGACTGTCTTCATCAT
ATGAAGATCCAAGTTGGGAGGGCAGACTGGTGGAGACATACGAACTCAAACCTGA

>trans_s_2044 AY104320|Zea mays PCO068338 mRNA sequence

ATTTTCACCCCCGATTCAAGCTTTTCTACCCAATTCCCTTCTTCATTTTCGTCTCCACATCGTTCCGATTGCTGA
CTGAAACTCTTGTCACCCCCACAAAAGGGAAGAATCAGCAACGAAAAGTAGAAGGGCAATACCTTGAATC
CAATCGAGAAACAACATTCAAGAGTTACGAATACACATTTTCATGCCAGCTTCCGCCATTTAATCAAACCCCTC
TGAATTGTAAAGTGGGTTTAGAGTGAGGATGGTATTGGTGTTGGCTTTGGGGGATTTACATATACCACATAGA
GCTCCTGACCTTCCCGAGAAGTTCAAGTCTATGCTTGTTCTGGCAAGATCCAGCATATCATCTGCACCGGAAA
TCTTTGTATCAAAGAAGTTCATGACTACTTGAAAACATTTGTCCGGATTTGCACATTACACGAGGTGAATATG
ATGAAGAGACTCGCTATCCCGAGACAAAACTCTGACTATTGGACAATTTAAATTGGGACTGTGCCATGGGCA
TCAGGTTATTCTTGGGGAGACCTAGACTCACTCGCCATGATGCAGAGGCAGCTAGATGTCGACATCCTTGTC

ACCGGTCACACCCATCAATTTACAGCTTACAAACACGAGGGAGGTGTGGTGATTAACCCCGGATCTGCAACAG
GTGCATATAGCAGCATCACCTATGACGTCAACCCGAGCTTTGTCTTATGGACATTGATGGCCTTCGTGTTGTG
GTCTACGTTTATGAACTCATTGATGGAGAGGTTAAGGTAGACAAGATTGATTTCAAGAAAACAACCACGACTG
CTCATTGACTCGAACAAATTGGCCTTTTACAAACATAATGAAGTTCATTCTTTTATGGAGTTGTTGTTGTGAT
GCCTGTTTAACAATGCTTAATCTTGCTGAAAAGATGCTGTTGTTTCTGTGGTGATTGAT

>trans_s_2045 NM_102223|Arabidopsis thaliana DNA-binding protein-related (AT1G23750) mRNA,
complete cds

AAGCTTGAGTTTGACGGCTACGCTACTCAAATCAGATCGGCTTCCCTTTTCCCCCTTCGTCTTTGCCTCCATCCA
CCACTCGTAAAGGGATTAGGTATTCGTTATCGGGTAATGGCAGAATCAAAACCAGGACTAAGGAAACCAG
TATTTACCAAGGTTGACCAACTTCGGCCCCGCACTAGTGGCCATACTTTACAGTCAAAGTTGTGAATACGAA
GATGGTATTGCAGAAAGGTCGTCCTGATGGTCCTCAAGCCCGTCAGATGCGAATTGCCGAATGTTTAGTGGGT
GATGAACTGGAATGATCATATTTACAGCCAGAAATGATCAAGTGGATTTGATGAAAGAAGGTGCTACTATA
ACCCTGCGCAATGCTAAGATAGACATGTTTAAAGGATCAATGAGGCTTGCTGTAGACAGGTGGGGCCGAGTT
GAAGTTACTGAGCCTGCCAATTTCACTGTTAAGGAAGATAACAATCTTCACTCATTGAATATGAGCTCGTGAA
TGTTGTGGAAGAGTGAATTTTGTGATCGTGTTCATTTTCTGCTGCAACCTGACCAAAAAATAAAACAATCAAG
CTACAAAATCACAAATTTCCGTTGGGGTACTGAAAATGCTCGCAAAAGTTCATTATTAGGGAATAGAATTCTG
GAGGCCAGTAGTACGAAAGTTGATTTTCATCCCTGCAGCCTATTGGTGAACCGTTGTTGGGATCTACAAACA
GGTGGGTAATGGCTTAGTTGATGGAAGAAGGCTTAGCTGGCTTTTTTATTCTATTGTTGCTAGTATTTATTGC
TCATGAACACGTTTATATGATGTTTTGAACTATCAGATGACAAGACTCGCCTTGCTCCGTTAAAACCTATGTTT
ATTTTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2046 FJ882041|Fragaria vesca blue light photoreceptor (CRY2) mRNA, complete cds

GTAACCCACGCTGAATCCGTATTTGTATTTACGATACCCACGATACCCACGCTGTCTCTGTATTTACGATACG
CACGCTGAAGGCGTTGTCTCTATATTACAGATACCCACGCTGAATCCGTAAAGGGTTCCTTGAGTTTTTCGAAT
AAGAGGATGTTGGTTTAAGCAATTGAGGGGACCATGGAATCATTGTGGTTCCTCTCATAGATTTTGATTTCTG
AGGTGTTGAGAAGGCTTTAACCTTTTTCTCACTGAAATGGATGGTGAAGCTCTGAATCCCCAAATATGGGTT
GTAAGAAGACCATAGTATGGTTTCGTAGAGACCTTAGGATTGAGGACAACCTGCTTTAGCTGCTGCTACTAG
GAATGGTTTTGTATATCCTGTGTACATATGGTGTCTTAAAGAGAAGGGACAATTCTATCCTGGTCAAGTATCG
AGGTGGTGGTTGAAGCAATCCCTTGCTATTTGAAACAGTCACTTAAATCACTTGGTGTGACCTAGTGCTGAT
GAAACTCAGAGTACTATTCTCTCTTAGAGTGTATCAATGCTACTGGGGCAACAAAAGTAGCATTAACTGT
CTCTTCGATCCCATTTCACCTGTCCGAGACCACAATATTAAAGAAGAACTAGTTGAACTCGAAATTTCCATGCA
GAGCTACAATGCAGATCTTTTATATGAGCCATAGGACGTAAATGATGAAAATTGGAATGCTTTTACGACCTTC
AAAGAATATTGGGATAAATGTCATCTTTTAAAAAGGAGTTGGTTTCAACTCTCCCTCCATGGAACCTACAGCA
GGCTGCAGGTACAATTCTGACATTACCTATATGTAATAACTGTTGAATAATTCTCCTTGACGATACTTGATAC
ATCCTCTGGTACTTCTATGATTGATATTTGTAATACTTCTGGAAGATAGATAGTACTAC

>trans_s_2047 NM_125821|Arabidopsis thaliana 2-nitropropane dioxygenase family / NPD family
(AT5G64250) mRNA, complete cds

AAGACAAAAGAATTTCTTGAGAAGAAAGAAATTGAAGAGTAGAGAAGTGCAGAGCTTCTTCTTCTCCTTCTTC
TTAAGCTGCTTGCACTTCTTTTCAATTCGTGTTCCACAAATTTCCAATCGAACCTCCTTTCCGTTAGGACAAAC
AACCATCTACAATGAGTAGCATTGGCACAGGTTACGATCTTCCGTCACCACATTCTCCCCGATGGACGCGTT
TTTCAGATCGAGTACGCAGCTAAGGCCGTCGACAACAGCGGGACTGTTATTGGAATCAAATGCAAAGACGGA
GTTGTTATGGGCGTGGAAGGCTTATTACCTCTAAGATGATGCTTCTGTTCTAATAGAAGAATTCACGCTAT

TCATCGTCATTCTGGCATGGCTGTGGCCGGGTTAGCTGCAGATGGAAGACAGATAGTGGCTCGAGCTAAGTC
TGAAGCAACCAACTACGAAAGTGTATATGGTGAACCAATCCCTGTAAAGGAACTAGCTGACCGTGTGCTAGT
TATGTGCATCTCTGCACACTTTACTGGTGGCTCAGGCCCTTTGGATGTGGTGTAACTCTGGAGGTTATGACAG
AGATGGACCACAATTGTACATGGTTGAACCATCTGGTGTTCGTACAGATACTATGGTGTGCAATTGGGAAG
GGTAGGCAAGCTGCAAAAACGGAAATTGAAAAGTTGAAGCTCTCTGAATTGACTTGTGCGCAAGGGGTATT
GAAGTAGCCAAGATCATTTATGGAGTACATGATGAGGCAAAGGACAAGGACTTCGAGTTGGAAATGAGTTG
GATCTGTGATGAATCAAACCACCAACATCAGAAGGTCCCGGAGGATCTCCTAGAGGAAGCAAAGGCAGCTGC
TAAAGCTGCCCTGGAGAAAAGGATGCTGATTAAGGAAATTTATAGGCGTTTCTACTGTGTTGCAAT

>trans_s_2048 AY423270|Pinus sylvestris disease resistance gene (R) mRNA, complete cds

CTCTCTCTTCATTTCTCTCTCTTTTTCTGGGGTTTCTTTGCTTCTGCGAGGTCCACCAAACCTCGTAGCAACAA
AGAAACCCCAATCCCATTCTCTCAAAAAAAAAAAGAAAAAAGTTTATCATGGGTCTTCAATCTTGTGTAAGAGC
CAAGAGACTTTGGAATGTCTTGAAGGTGACACTCATTCTAATGGCAAGAAAGGGTTTGATCTCAAAAAGGAG
GTTTCATCATGGACATGAATTTAATGGTGAAGAGAGGGAAGGTATTGAGAAAATCTGTTACCAATTATTTTCATG
TTCCATCACCATCACAACCACTCGAGCCATAGAGATATGACATGTGGCGGTTTCGGCATAACAGGATTATGAAT
TCTCTTGCAAGTAACACTCCCATTAACTGTCTTTTTTCCCATGTCAAAGCGCAGCACCAAATATCAAACCTAC
TTCCCTTGATAAACCTTCCAGTAGAGATGGAAACAAGACGACAGCAACAAGACGATGACGAAGAAGAAGAA
GAAGAGGAAGAAGATTCGTACCAAGAAGCCAAGGCAGATTCTTATCTACTCATGACTCCTGAGAACACATTAA
ATAATCATTTGCAGTATAATGGTTGTAGCTTTGCTTTAAGTCCTGCAATGGAGGCCGTTTCGCCGTTCAATGTA
CGGATATCGAACTATTCATCTGAAGAAGAAAACGAAATTAGCAGTGAAAGTGGACAAGTGGATAATCAAGCT
GAGGAGTTCATCAGAAGGTTCTATGAACAGCTGAAGATGCAAAAACGCCTGCAATTACTACAATATAACTAAT
TTAATTAAGCTAATTCATTTTCCCTCCTGATGTGTGATTTACAGAATATCCAACATGTTATTCTTTCAATGGTTA
TGACAATATAATAAATCAGGTTTTTTCTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2049 U89841|Lupinus angustifolius diadenosine 5',5'''-P1,P4-tetraphosphate hydrolase
mRNA, complete cds

AAAGCGCGAAGCGTTGGATGAACGCTCCAAAGAAATGGCCTTAAACCGATATGTCGTTTTTAGTCATTCACTT
TTTCACTATCGTCGTCCTCCTCCATTTTTCTCATCTGCTCTGCGTTCGACCTCCTCGTCCATGGAAGCTCCTCCCG
CAGGATACCGCAAAAACGTTGGTATTTGCCTCATCAATCCGTCTAAAAGATTTTTGCTGCCTCAAGGTTGGAT
ATACCAGATGCCTGGCAATGCCTCAGGGCGGCGTGGACGAGGGTGAAGATCCAAGAAGTGCAGCCATTAG
AGAACTTAGAGAAGAAACAGGAGTCAAATCCGCAGACATTATTGCTGAAGTACCTTATTGGGTGACTTATGAC
TTCCCACCACAAGTTCTGTAAAACTTAGGCAACAGTGGGGTTCTGACTGGAAGGGTCAAGCACAGAAGTGG
TTTCTGCTGAAGCTGACGGGAAGTGATGAAGAGATCAATCTTCTAGGTGATGGGACCGAGAAAGCCGAGTTT
GGCGAATGGTCATGGATGTCACCTGAAGAAGTAGTAGAACGTGCTGTAGATTCAAGAAACCTGTATACAAG
GACGTGCTAACGGTATTCAAACCCCATCTCGACTGACATTGTTCTGTTTCATAAACATTTATTCTCGTCCCTTTC
AATAATGTTGGTTTTACTTGTCCAATGAACTAAATATTTATATACAAGGAAGCCATGTGAGCTGCGGCGATAT
ATCAAACCAGCTCGATTGGTGGAATTAGTTTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGACTATTGGAATAAGTTTCATGCTTCATTTTATAGCAAAAAGCTCTCATG
TTTGAGAATAAACGATACTTTCTTGAATGGGAACAAGACTTTAGCTAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2050 CP001329|Micromonas sp. RCC299 chromosome 9, complete sequence

ATTTCAATCCATTTCAATTTCAATTTCTTTGTGTGCTATTCGTAAATTCGATCAATCCTCTCTTCAAGACGCC
GTGAGAAAGAGGACCAATCTCGAAGCTCCACAGTTTCGTTCAATTCATTCACGTTTCCAGTTCCAAAAGTCGCCT
CCTCTCAATCTCTGATTATCCTTGTTCATCTTTGTAGCGATCTTCAATTTCTCTCTGAATCCATCGGTGTCCTT

TGCTTCCATCCACCAGGAAGAAGAGGACAGTTCGACGTTTGTAACATCGTTTATTTGTTTCGTCCTTGAACCTTG
ATACTTTACTCCACTAGCTCTGAAAATGTTTAGCTGGTGTATTGTTGATGACGATAACTTGATTCTATCTGTATA
TGGATTTTCTGAATAACATCAATCAATATATCAGCTGTAAATTGAAATCTAACGTTGTAAGTTAAAGAAGAAAT
CCTGAATCCGTACTTACTAAGCAAATCCTTCAATTCAGAAACCAACGTCAGGATTAAGTGTATTTATCTTGCATC
CGTCTCTGATATTTGGTTTTCTAGTTCTGCCTTTACCTCGATGCACTGAGATTTGTGTTGCTCGCGTACAGCCA
ACTCTGCTCATTTATTGTAACGAAAATACGAAGTGATGGAATTAGCTCAGTTAGAGGCATTGTGTGAAAGACT
TTACAATTCTCAAGACTCTGTGGAGCGAGCCCATGCTGAAAACACTCTGAAATGCTTCTCCATGAATACTGATT
ACATTTCCAGTGTCAATACATTCTCGACCATGCATTGACTCCCTATGCATTGATGCTTGCAGATTTTCAGCTTGC
TGAAAACAGCCACCGATCATAGCCTAGCCCTGGCACTCCCGTTAGACATTTCGAGGCTATCTTTATAACTACTTG
GCCACTAGAGGGGCTGATTTGCAGCCTTTGTCACTGCATCTTTAA

>trans_s_2051 GU295062 | *Gossypium hirsutum* eukaryotic translation initiation factor 5A mRNA,
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGATTGCAAAAATTATCACTTCGATTTATCAAAGTAAGCATCCAAAA
CCCAATAACATTACCAATATCATAAAATAACACAACATAAAGCACAGTTATGATGCACGAACCAACCATACA
TCCTGGGCCAGAAGGTGAGATGAGATGAGAAAAGGGAATGGAGGGAAGGAGAAGAGTGAGGCGTTAACAG
ATACAAAGTCTGCTAATTAATTATACCATCATTTAAAGATTCAATAGAGGAATTCGGCGATAAAAAGCAGTC
GATGACCACAACTTTTAACTTTGAGTACGACGACAAGACCTACTTTGGGCCGATATCCTTCAGTGCACAAATTT
GTTCTCTCCCATGGAAGACATCACCGACACGACAAGGTCTTTCTTCAGCAAATCCCTCCTTAATCTGTTTGA
GCAGGTTATCATCAGTTGGAAGTCTCAAATCATCTTGGTATCACCCTGTCAGTTAAAAGACTCACAAATCCA
TCCTCAGAGATATCAATCAGCTGATAATCAGTACGATTAACATGGGGCACGTCACAATTGTGGGATGAAGGA
ACAATATCTTCAAGCTTCTTGCCAGTGAAGATGTCGATTCCAACAAAGTGACACTTAGCATGCCCATGCTTTCC
TGTCTTAGAAGTTGAAACCTCAACCACCTTGCATGGACGTTCTTGATGACGATGTAGCCGTTCTCCGGATAG
TTCCGGCCTGTTGTGGGTAGGTCTTGGAGGCTCCGGCGTCGGCCTTGGATTCAAAGTGATGCTCCTCGTCCGA
CATGGCTAAAGATTTTGTCTTCTACAGCTTGCAGTGGGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGTGTTCAACAG
TGGGATTTGTTGGAAGCGGAAGGAAAACGGGAGGAAGCCCTCTGTACCGGCCATTG

>trans_s_2052 GU065692 | *Populus trichocarpa* TCHQD class glutathione transferase TCHOD1
mRNA, complete cds

AGAGAACGTCCTTTCCAACAAAAATTTCTCACTTTTGCGCTTCAAAAAGACCCCATCGATTCTCTCGACCCTTT
TTCTGTGCTTTATCCGTGCAGAACAGTAACCCAACTGCGAATTTGAGGTCTCCAATGTTAGTTGTTTCAGCAGG
ATGCTTTCTGGGTCTCTGGCTTGAGGGATTTTAGCTTAACTTTTCCCATGGATTGGGGTGATTTGTTAAGCC
ATAAACCAAGAGGCAGTATCCAAGAACTGTCTTGAAATTCACAAATAAAGCTGATGTTAGTAATAAGCAAT
GCAGTTATATCATCATCTTACTCTTTGGATAGCCAGAAGGTGAGACTTGCCTTGAAGAGCAAAGCATTGAT
TACACATCGTATCATGTCAATCCCATCACGGCCAAGAATGGACTCTTCATTCTTCAAGATCAACCCAAGTGC
TAAACTTCCCGTCTTTCAAATGGTTCCACATTATTTTCGACACAATTGAGATAAATCAGTATATAGAGAGAAT
TGCAATTGTCTCTCAGGGACCGACGACATAATGCCAAGTAGCAGGGAAGTTGTTGAATGGATGCATAAGAT
ACAACAATGGAATCCAAAATTTTCACTCTTTCCCATATCCCTGAGAAGTACCGCCTTACTGTCACCAGATTTAT
AAGGCGAGTGGTGATCGCTCGCATGGCAGAACTCCCGAAATGGCTGCTGCTTACCATCGTAAGCTGAGAGA
AGCGTACGACACTGAAGACAAATTGAAAAACAAATCTGTTGTCAAACAAAGCACTGACCATCTAGTTGCACTT
CTTGACGAAGTTGAATCGAACTAAGTGAAACTTCTACTTAGCAGGGGAAGAGTTCACCACGGCTGATGCCA
TATTCATTCCAGTGCTGGCTCGACTCGAGCTATTGAAGCTGGCAGATGAATATATAGGCA

>trans_s_2053 AY494790 | *Momordica charantia* var. *abbreviata* phytoene desaturase (PDS) mRNA,
complete cds

AGCCCTCAACTTTGCTCTTCTCACTGACTAAATCCACTCTCAAACCTCTCCAAATTTTGCTTCATCGGCAACCATAA
TGGGGAAGGACGACGAAGAGATGCGTGGAGAAATGGAGGAGAGGCTGATAAACGAGGAGTACAAGATTTG
GAAGAAGAATACTCCATTTCTTTACGATTTGGTTATTACTCATGCCCTAGAGTGGCCTTCACTCACTGTAGAAT
GGTTGCCTGACCGGGAGGAACCTCCTGGCAAGGATTACTCCGTTCAGAAGATGATTTTGGGGACTCATACCTC
CGAGAATGAGCCCAATTATCTCATGCTCGCTCAGGTTGAGCTTCCGCTTGAGGATTCCGAGAACGATGCGCGT
CATTACGATGATGATCGTGCTGATGCGGGTGGCTTCGGGTGTGCCAACGGCAAGGTACAAATAATCCAGCAA
ATAAATCACGATGGCGAAGTCAATAGAGCCCGTTATATGCCTCAAATCCATTTATAATTGCTACAAAGACTGT
CAGTGCCGAAGTTTTTGTGTTTTGACTATAGTAAACATCCATCCAAACCACCTCTAGATGGTACATGCAATCCCG
ATTTGAGATTGAGGGGTACAATACCGAAGGTTATGGTTTATCGTGGAGTAAGTTCAAGCAGGGCCATTTACT
AAGTGGTTCTGATGATGCACAGATTTGTTTATGGGACATCAATGCTACTCCCAAGAACAAAACCTTGAGGCT
ATGCAAATTTTTAAGGTTTATGAAGGTGTTGTGGAAGATGTTGCATGGCATCTTAGGCATGAATACTTGTGTTG
GTTTCAGTAGGTGATGACCAATACCTACTCGTATGGGATTTGCGAACTCCTTCAGCTAATAAGCCCGTACAGTCT
GTAGTTGCTCATCAAAGTGAGGTTAATTGCTTGGCATTCAATCCCTTCAATGAGTGGGTTGTAG

>trans_s_2054 NM_001049855 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0555300 (Os01g0555300)
mRNA, complete cds

AATTAACCGCCATTACCAGATCCTATTTCTTCCATCTCCACCGTCTGAATTTGTTTTTTTTTCTCTCTCTCTCGA
GTTGTCAACAATGGCAACCTCCACGCCATCGTCGACATCAACGGCATCAAAGAGTTGGGTCAGGAATCTTTCT
TCAATTGCGTCTCGTGTCTATTTCTTACTTATCATACTTCAGATCCCGCTCTTCAGGATCTCATGCAGATCTGGC
ATGTGTACGACCCCTTTGCATGTAACCTCATCTCAGTTGATTGCAAGTGAAGTCTTTCCTGCACCTGTAGTTAA
GGCACTTCTCTATCCTGGAGCAGTTGTGAATGGGCTTGTGATGAACCTTGACAGTTCCTAGCTGGAGTGATTTGT
TCGACATCTATAATTTGACTAACATCAAGGAAGCCTCTGCCGTGACTGATCTTCAACGCTTGAGGTTCTTGCG
GGAAGCTATTTCTCAGTGGCTGGAGCATTTGTTGGTCTTTTGAAGCCTGGGAGGATGAGCATGTTCCGGAACCT
TTTTGGTAATTTGGGGTCTTGTTAAGGAAGGAATCCTGGGAAAACCTGTGAACACAGATCCTGTCAAAGCTGT
TTATGTTTATCCTACAATGATTCTCGCTGTGATCTGTGCTTTCTCATCGGTTAAGTATGATGTGAAGAAGGTTGT
TAGAGGTGCCCTGCTCGACCAATTGCAAAGCCACTTCAAAGCTCATCAAATCTAAGCTCAAGTGAGTCCAA
TTGTAATTTCTTAGCATTATCTATGAGTTTTTCTTTATTCTCTCCTGAGTACTCCTGACCACTTCCAAACATCAT
TTTATGCATATCCCAATATTCATTTTGTGGATCTATTAGCTGTGCCGTGAATTCGATCTACAACCTTCTTCTCAGA
TAGTTCTTTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2055 NM_121474 | *Arabidopsis thaliana* cinnamoyl-CoA reductase-related (AT5G14700)
mRNA, complete cds

ACCACGAAACACATATTTTCTCCCTCAAATCTCTCTCTCTCTCTAGATTCTCGTTGTAACCGGCGAAATGGG
CGTCTTATTTGTTCTGAACAGACTTTCGTGTCCGAGATACACCTGCTACGCCGCAATCTCCTCTCCTACGGCG
GCCTTCAGAGGAGGAAAGACAGCGAACGTTTCAACGCCTTGAAATCCAACCCCATCGTCGATCCTGAGGAGA
AAGTCGATATGTGTAACCTAGCGGTGTTTCGTTTCTGGGTTCCGCCATCGTTGAGGAGCTATCCACTCATGGATAC
TCTGTTTCGAGTGATTGTTGATAATCCTGAGGATGTTAACAAATTGGAAGAGACGACGAGCGGTGCGCCATAAC
GTGACGGTGGTTGTAGCGAAGCTTACAGATGTAAATAGCTTAGTGGAAGCATTTAATGGCTGCCGTGGCGTT
TTTCATACCTCTTCTCCATTGATCCTGCTGGTCTTTCTGGTTACACGAAAGTAATGAGTGAAGTGGAATGAG
GAACACAGAGAATGTGATGGAAGCTTGTTCAGAACAGAGACAGTACGAAATTGTGTTCTTACATCTTCTCTT
CTTGCTTGCAATTTGAGGGGATCAACATGGTGAAATGAAACCTCACAAATTGTTGACCATGCTTCTTGAGCA
GCTTAGAGCTTTGCCAACACAAAAAGCTATGGCTTGCACTGGGGAAACTAAAATCAGAGAAAGTAGCATGGA
AAATAGCACAAAGAAAGTGGAATAACTAGCTACTATTTGTTCTGCTCTCATAACTGGCCCCAACTTTCACCTT

AGAAAGTCAAACGCAACATTGGCTTATCTCAAAGGAGCTCGAGAGATGTACGCAAATGGTCTACTGGCAACC
GTGGATGTGACAAATTTGGCCAAAGCACATCTCTATGTGTATGAAAGAATGAAGGACAATGCTGCT

>trans_s_2056 AY109937|Zea mays CL24596_1 mRNA sequence

AAAGTGAATGAATGGCTGTGGTGATTACACACACACCTTCCCTCAATCTTCTTCACAAACCACACCATTCTCCCT
TTTTCATCATCTTCTTCTTCAATTCTCCCTGTTTTCAATTCTCAACAAAATCAATGGCGTCTCTTCAATCTCTGGC
CTCCACTACTTCCCCTTCTTCTCCTCATCTCCTTCATCCTTCTTCCACAAACTTAGACTCTCTTATTCTCTCCACA
GCAGCGCCTTCTCCTCATTCCACGGCCGCTCTCTTCCCTCTCCACTACCAAATGCCACACACTCACTCGCCGCA
CTTACCGACAACGTCCATGGAACCCCATCCTCATGGTTCAGCCCAAGATTCAGTTCATCCAGGGCACGGACGA
GCAGACAGTGCCGGATGTGCGGCTCACGAAGTCCCGAGACGGAACCAACGGAATGGCGATTTTCAGGTTTCGA
TCAGCCGTCAGTGTTTCGATTTCATCGGCGGAGGTTGGGGATATCACCGGATTCTACATGATTGATGAAGAAGG
GGTGATTCAATCGGTTGATGTGAATGCGAAGTTCATCAATGGGAAACCGGCGGGGATTGAGGCGAAGTATGT
GATGAGAACCCCGAGGGAATGGGATAGATTTCATGAGATTTCATGGAGCGATACTCCAATGCCAATGGCTTGCA
ATTTGTCAAGAAATGAAATCAGGTTCTTTTTTCTTCTTTGCCCAATTTGTTTTGCGTTTGAAAATGAAGATC
AATACTGTGTTTGATTTATGGCTGATGGATGAAGATTTAATTGATGCTTTGTTCTATGTTCTTCTATCCTCTCTC
AACTAATTCTGTACGCTGGTAGGGCAATTTGTAATAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGGGAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2057 NM_001051728|Oryza sativa Japonica Group Os01g0916300 (Os01g0916300)
mRNA, complete cds

ACTCCAGTTTGTTTGTTTGGGCAGAAGGGACGGCGGCGGCGGCAGAGGATAGGAGAGCGGACAGGACGGC
GAATTCGGTTTGTGCGTTCGTTTATCGGGTCGTTTCGACCACCTTTCAGAAATAAAACCAGGTATTTCCCAATTC
GAAGCGTCGTTTCTCATCGCCGTTCCGCCATATTCAAATTCTCTGAATTCCGACTAGCAGTCGATCAATTAC
AGGAAAGCTTTCGAAATTGAAAGTTCCGGCGATGCCGACTTCTACTACAGCAATTGCAGGTTTCAGGAGATTTCG
TCCAATACCATAATTGGTTCTAGTGCCGAAGATAAATCCCTCAAGGAATCAGCTGCTGCTCAAAATGAAGTGC
AAGAACTTGAAAAGTTTAGCAAACAAATTTATCCTTGCCAAACCGGAGAGCTCAGTGTTCTGTGGCAATATC
TGCTGATCAAGAGACCAATCGAAGTTTTGGGAACGATCAGAACATTGTTCCCATGACGGTGTGTTTAACAAC
ATTGCTGTCTCAACTTCTAGCAACTTCAGGTGCAATGTTGACGATGGCAGAGACATTGAGATTGCTGTTTCAGG
ATGCCGTGTTGAGGGAACAGGAACTCGCTACCCAAAATATTATTCGTAGCCAAAGGGAATCTGTGGGTGCAG
ATGGACTTCGGCTGAGCAATCAGATATCTTTTCAGAACGTTATGACCCGAGTACTATTAAGAGCATCTTTTG
AAGATTACTTCTGAACATCGTGCAGAAATGGCTATGAAAAGGGGAAAGTTGAATCTTCCAGAAGAAGGGAAC
TTGGAAATTGGAATGGATACGGAGTACCTGGTGGATGTGCTTCTATGGTGCTTCAAAGCCTGGAATTGTTG
CCAATGGAAATAATGTGACTGGGCCAGAAATCCAGGGGACAGTCAAGGAAGCCGACCAAAGTTCTGCT

>trans_s_2058 AB359918|Solanum lycopersicum LeGABA-TP3 mRNA for gamma aminobutyrate
transaminase isoform3, complete cds

ATTGCAGATGAGGTTATTTGTGGTTTTGGAAGGCTCGGGACGATGGTTGGATGTGATAAATACAATATTAAGC
CAGACTTGGTATCAATAGCTAAGGCTCTTCTTCTGCATATATTCTATTGGTGGTGTCTTGTGTCAGTCTCTGAAG
TTTCAGATGTTATACACTCTCAAAGCAATAAGCTTGGTAATTTTGCCACGGATTTACATATTCTGGACATCCCCG
TTGCGTGTGCTGTGGCACTTGAAACACTGAAGATATACAAAGAGAGAAATATTCTTCAGGTAGTAAATAACCT
CGCTCCAAGGTTTCAAGATGGTATAAAAGCCTACCAAACAGTCCCATCATTGGAGAGATAAGGGGGGATCGG
ATTGATTTTCAGGCACAGAATTCACAGACAATAAATCACCCAACACTCCGTTTCTACTGAATGGGGGGTAGCT
GCATATTTTGGTGAAAGGTGTGAGAAATATGGAATGCTAGTACGTGTCTCTGGGGATACTATAACGATGAGTC
CTCCCTTCTGTATCAAACCTGAAGAAATTGATGAGATTATAAGAATCTATGGGAAAGCATTGAAGGATACTGA

>trans_s_2059 NM_001052656|Oryza sativa Japonica Group Os02g0186500 (Os02g0186500)
mRNA, complete cds

>trans_s_2060 NM_001052878|Oryza sativa Japonica Group Os02g0226000 (Os02g0226000)
mRNA, complete cds

>trans_s_2061 NM_117668|Arabidopsis thaliana RNA binding / protein binding (AT4G15770)
mRNA, complete cds

AAAGATATTTTACATATAAAGTCATAAACCCTAAAACCTACAAAATTCTCCGCGCCACCGCTCACTCCTCCTTCT
CCGATCGACGACGATGAGGCCCTTAGACGAGCAAGAGACTACCGTCGTGTTGAAAAAGCTTCACAAATTCACA
GGTAACAACCTCAAGAACATCGTCGAGAATCCCTCTCATGAAGGCACCGAACCAATCCCGGCCGCTACTGCT
TCCGCCTCCACAAGAACAAGGTTTATTACGTCAGTGACTCCCTCGTCAAGCGAGCCACCAACGTAGCCCGCTCC

AACCTCGTCTCTCTCGGCACCTGCATCGGAAAGTTCACCTCATGGCGGCAGTTTTTCATCTCACTGTTCAAGTCGTT
GGGGCTATTGTCCCCCAATGCCAAGCACAAGGTTTGGCTTAAACCAACCTCTGAGATGTCCTTTCTGTATGGAA
ACCATGTTTTAAAGGCGGCTTAGGACGGATTACTGAAAATATTGTTCCCGGTGATGGGGTCGTCGTGTATTC
TATGTCGGATGTGCCTTTGGGATTGGAATTGCGGCAAAGTCCACGCAGGATTGTAGGAAATTGGACCCAAAT
GGGATTGTGGTTCTACACCAATCGGATATTGGAGAGTATTTGAGGATGGAGGATGAGCTTTAAAGGATCAAG
GATGAAGCTGAATTGAGTTTATTGGGAATCGGCTTCCCGTTCAGGTATACTCCAGTTGTTCTTGTAAGTTTG
TTGATCAATAGGATTTTGGAGCTCAAATTGATATTCTATTTTAGGCATCAAGTCAATTTTGATCTTTTGAAAACA
AGGGTGTGAGATTTGTCTTTAATTGAGGTGTTTAAGTTATGTGAACGATGAACTATGGCTCTAATCCGAG
CTATCTAATATCATAGAGATAAAGATTTTGCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2062 XM_002891865|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thylakoid lumen 18.3 kDa protein,
mRNA

ATTCCATGTCTCACAATATCTGAATCTCTTCTTCATCTTCCTATGGAAACCATTCTCTCTCCTCACTCTCTCTCTCC
TCTTCTCAATCTAAACCTTCCTCTTCCAAGAATCTTCCCTCTATTCCACCCAACCCAGATCAAATCTTGTTCTT
TATCAAAACCCATTTCACTTTCTCTCAAAACACCTTCTCCTCCCAAGTCTCTCCGATCATCTCTCCCAGTTCCTTC
GACTTGTTCTCCCATCTCCAACATGGGTTGGCGGCTGTAGCGATTTCTTGGCGCTTAACTTTTCCCGTTGTT
GGCTGGGCATAATGCTCTAGCGTCTGAATTTGATGTTCTCAATGATGGGCCGCCGAAGGAAACACATGTGGT
GGACGATGCTGGAGTTCTTAGTCGGGTACGAAGTCAGATTTGAAGAGGTTGTTGACGGATTTGGAGACGAG
GAAGAATTTTCATATTGATTTTGTCACTGTTAGAAAGCTCACTAGCAAAGCTGATGCATTTGAGTATGCTGATC
AAGTTTTGGAGCGTTGGTATCCCACAGTGGAAGATGGAAACAACAAAGGCATAGTTGTTCTTGTCACCAAGTCA
GAAAGAAGGAGCCATTACTGGTGGCCCTGCCTTTATCCAAGCTGTTGGAGAAAATATTCTTGATGCCACAGTA
ACAGAGAATCTCCAGTCTTAGCTACTGATGAAAAATATAACGAAGCCATATACAGCAGTGCAAAGCGGTTAG
TGGCTGCCATTGATGGCCTTCAGATCCAGGTGGTCCTTCATTTAAAGACAATAAGCGTGAATCGAACTTCAA
AACAAGGGAAGAAACCGAGGAGAAACGAAGACAGTTTAGTCTTGTCGTTGGAAGTTTGTTAGTCATAGCCTT
TGGTTGTTCTATGGCTCAATACTATGCTTATGTATCCAAGAAGTAACCAAAAA

>trans_s_2063 X15333|Chenopodium rubrum mRNA for heat-shock protein

CCAGCTTCTTGTAGTCATCGAATAGCAATCTCAGCTTCCAAAAATCTCCATCTATGGCTTCTTCCATCGCTCTCC
GAAGGCTTGCCGCTTCCTCTGCAACTAAGCTTTCAATCCTGTTTCGCTCAGCCTCTGTTCTCCCCTCCTCTCTTGC
TCGTTCTTTCAACACCAATGCTCAGATGACCAACTACGACGATGACGACCGCTCTGTTGATGTGGACCGACGCT
CTGACCGCTCCCTCTCTCGTTCTCGTGATCGCTTCCCTGGTTTCGGAGATGTGTTTCGATCCATTTTCTCCAATA
GGAGCCTAAGCCAGGTTCTGAATCTGATGGATCAGTTCATGGAGGACCCATTTCTGGCAGCATCACGAGGAG
TAGGAGCAGGAACAAGGAGGGGCTGGGACGTGAAAGAAGACGATAATGCTCTATATCTACGAATGGACATG
CCAGGACTGAGCAAAGATGATGTGAGGGTGAGTGTGGAGCAGAACACACTGATCATCAAAGGAGAGGAAGC
GAAAGAATCGGAAGACGAAGAAGATCGTAGACGATTCTCGAGCAGACTAGACTTGCCTGCGAATCTGTACGA
ACTGAATTCAATCAAAGCAGAGATGAAGAATGGGGTGCTGAAAGTGGCAGTGCCAAAAGTGAAGGAAGAAG
AAAGAAAGGATGTGAGACATGTTACTGTTGAGTAGTTTGGTCCCTTCGAAACTAGAAAATGGTGAAGAGATT
CTTCTTTCGTCCTATATAGGTTTAGTTAGTTTGATGCTTTGGGTTCTTGTGTCTGCATGTGAATAAGACATAAGG
ATTTAGAGTTGTTTCGATAATGTCGTGTAAGTTGGTTGAAGAGTTGAGAAAGTGTGTTTGAGATGAATATCTT
TGAATAAACGTTCTTTGAATTGAAGGCATTCTTATTCTCTCTAAGGTATTGAGAGACTTCAA

>trans_s_2064 NM_119078|Arabidopsis thaliana DER1 (DERLIN-1) (DER1) mRNA, complete cds

ACTTCGGATTGAGAACATTCTGGGTCGTAGAGAACTCTTCATTGTTTCATCTTCTAATTTCTTGTTTGTTAAGTC
TTGTTCTTCTCTGGCGGTGAAATTTCTTACAAGAACTGAAAGATCTTCATTTCCCATAGCTTATCTGAATTT

CATTTCTGTTTCTACAATGTCTTCTCCTGCCGAATTTTACAACCTCTCTCCACCTATTAGTAAGGCGTATGGAACCT
CTGTGCCTTTTGGCAACTACAGCCTTTCAACTTGGCTTGTACGATCCCATGCTTATTGCGTTGGATTATGGACTT
GTGTTCAAGCATTTTCAGGTGTGGAGGTTATTCACAACTTTTTCTTCCTAGGAAAATTCTCTATCAATTTTGA
ATTCGCTTATTAATGATAGCAAGATATGGGGTTCAACTTGAGAATGGACCATTTCAGAGGCGAACAGCAGATT
TTCTATGGATGATGATATTTGGAGGCTTGACATTATTGGTACTTGCTGCTATCCCAATCTCCGGTTTCCAGTCT
TAGGGATATCACTTGTGTTTATGCTTCTCTATGTCTGGAGTAGAGAATTCCTAATGCACAAATCAATATATAT
GGCCTTGTAACCTCTTAAGGCATTTTATCTGCCATGGGCCATGCTAGCACTGGATGTCATTTTCGGTTCACCCCTT
GTACCTGATTTACTCGGAATCCTAGCGGGGCATTTGTACTACTTTTTGACCGTGTTCATCCGCTGGCAGGCGG
AAAGAACATATTGAGAACCCCATTTTGGATACAGAGGTTAGTCTCAAGGTGGAAGATAGGTGCTCCACCAAT
GCAACGTGCGGCAGTGCCTGATGATAGGGGTACGAGTGGGGCTTTCAGAAGGAGGTCATATCGGCTTAATG
GCTAAACAGCTATCTGTATAAGAAAACAACATGGTCAATCCTCTTAACACT

>trans_s_2065 NM_001188281|Oryza sativa Japonica Group Os07g0496250 (Os07g0496250)
mRNA, complete cds

ATCTCCACGTCTTCTTCTTTCATCTTTCTTCAATAACATCCTAAAAGCTTGTGTGTGCTGCTTTTTTATCATGGCTC
TCTCTTCTTCTTCTTCTGTTTTGTTTTGCAATAACTTTGCTTCTCATGCTAAGGCTTTCAGAGAGTGCCACATG
TAATGATTGTTTCACACGCTCTCGAGCCTCTCATTACCCTAACTCGGAGGAGCAAGGAACAGATCATGGAGCA
TGTGGGTATGGAACCTTTGGAGCAACGATTAACGATGGAGATGTTGCAACTGCCTCTGATCTCTACAGAAATG
GCCTTGTTGTGGAGCTTGTACCAGATAAGGTGCATAGACAGTGAATTGTGCTCAGAGAAAGGAACAATGG
TGGTGATAACAGATCAAGGCTCAGGTCCTGGCGATTTTATTATGAGCCGAAGAGCCTATGCTGGGTTGGCTCA
AACCCCTTATGCTGCTGTCTCTTGTATGGCCCTCGGTGTCATTGACATTGAATACAAACGAGTGGCTTGCAGTT
ACCCAAACAAAAACATAACAATAAAGATTGATGAGAATAGCGATGCTCCTCATTACTTGGCCTTTGTCATAAG
GTTTCAACAAGGAAAAAATGACATCACAGCAGTTCAACTTTGTGAGACGAAAAACTTCGTGTGCAAGTTATTA
GATCGAAGCTACGGTACTGTATGGACGACAACATCGCCACCGAGGGGACCGTTGTCATTGAGAATGTTGCTG
ACAAATGAGGAGGGAGACGAGCAGTGGATTGTCCCATTAATGATATTCTCGTGATTGAAAGGCTGGAGAT
ATCTACGACACTGGAGTTCAAGTTAATTAAATTCATCATTCCATATTATTTATAGAAATTTTCTTCATGTTTT
TATTTTAAATTTTCTTAAAGTTATTTTGATCGGAAATAAATGTCTCACTAAATGAA

>trans_s_2066 NM_115944|Arabidopsis thaliana zinc finger (DHHC type) family protein
(AT3G60800) mRNA, complete cds

GTATAATCGGAATTATCTTCTTCATAATTTTGTATTAGGGGCAATTTTCGAGTTTCTTCATCCGGAATTAGTCCTC
CGCCGTTGGTCGATCTTTCGATCCCCACTGTTTCGATTTTCTTCATTTCTCTTCCAATTCGAATTCCTAATTATT
CCAAAATGTTTCCAATCGGCTCTGAAATCGCAACTTCGATCATATTCGCAGCTGGTTTCTGATTCCGATTTTCGC
ATTCCCTTCGTCATTTCTCATCCTTTCCCTTTGCGAGATCAGAATCAGGAGCAGAAATGTCTTGGAATGTCTTCA
AATTCTGCTCGGCACTGCGTGCTTTGGGTTCCATCATGATTCTCTTAGTTCTAGGTATAAATTGGTCTCTCCTATT
ACGCTTTGGTCGTCGTCGTCAACTATGGTCCGGCTCTCTTTCGCGGAGGCCTCAATTTCGTTACCGCTCTCCTAGTCT
TGCTCTTGTTCATTCTTGTGCTGGTGATGCTATTATGGAGCTACTTTTCGGTTGTACTAACAAATCCGGGATTTG
TTCCCCCTTATTGGAGACCTGAATCGGATGAAGAGAAAGGTGATGCTGATCCCTTAATGGCATCAGAATACAA
TGGTCTGGTGCAGGGCCAGAACAAAGGTACTATGCCAAGTGATTCTTCAAATCAAAAAGTACGATTTTGTGCGC
AAGTGCAACCAGTTTAAACCACCTCGTTGCCATCATTGTTCTGTTTGTGGAAGGTGTGTATTGAAATGGACCA
TCATTGTGTATGGGTTGTCAATTGTGTCGGAGCGAAGAACTACAAGTACTTCTGCTTTTTTGTGTTTACACATT
TCTTGAAACAACCCCTCGTCACTGTGTCATTATTGCCATACTTCTTAGCCTTTTTCTCTGATGGTGATATAACGGG
AACACCTGGTAGCCTTGCAGCCATATTTATCACATTTATTTTAA

>trans_s_2067 NM_001050854|Oryza sativa Japonica Group Os01g0760900 (Os01g0760900)
mRNA, complete cds

AGTGGCAAAAGGCACTTTCACTTCCTCTTGTTCACGAAAGACCGGAGAGCTTTTGCAACCATTGATCTTTTCA
TATCTGTTCAGGCATGGTAAGGAGAATGTTAAGCTCTATTTCTTCAGGTGGTTTGAATGCAGAAGCCGAGGCC
GAGGAAGCTACTCGCTTCCAGAATGCCCTCTGGAATAAAAGGCTTGCCTTCCAGCTTCATCAAGCGGCAG
ACTACTGTGAAACAACGTTCTTGAAAATAAGAGAAGAATGAAGTGGTGAAAACACCAAAGAGTACGTAT
GCAGGGCCATGGTAAGTGTGGTTGATCATCTTGAAATGTCACCTCCAATTTAGAGAGCTGTATTTCTCAAAC
AATGCCTTCAACGAGGTCGAGCTTCGATTAACTGCTTAAACCAAAGACTCCTCTCTGTGCACAGTATGCTCA
AAAGCTTGAAGTATCCCGACTACGTTGGAGTGAAATCCTGCCAGGTATCATCCCGCTATGTCTCTCCCGTTG
GCAAAAATATGGAGCAATTAAGTGAAGTTCGAGTATCAACCAAGTGGAGGGACACGAAAGACCTTCCGTTTG
CAAACACTGTTAATAACTGCAAGCCAGACATTTTACAGAGAAGTCAATGCCAGTTCTGTTGTACAAATTCTAC
TCTTACAATCTATCTCCTTACAAAACTTGAGTCGTAGATTCACTTCAAAGAAAGATGACAAGGAAAAAACATT
AGGTATACTTCAAAAAAGCAATATCATCAGCTGGTGACCATGGGTTTTATTCCGAACAAAAGGTCCAAATTCT
ACATTTTATTTTCAGGTTTCTAATCAGAAGCGTGGAAGCCATAGAAAATCAAACCTTGGAAAGTGATATATTTTC
CCTTTCTAAAGCGACTAAACAAGTAGCTTAACAAACATAAGCTGTGAGAGTGGTTTTATT

>trans_s_2068 GQ997975|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 ribosomal protein
L16 (rpl16) gene, complete cds; chloroplast

TAAATAAAAATGAAATTAATCATTTGAGATAATTGCTATGCTTAGTGTGCGACTCGTCAGTTTTTTTTATGTTTCG
GATTA AAAACCAAAAAATAAAGAAGGATAAGCCCATACATAATCTGAATAATAATTATAAACTAATAACCAA
CTCATCGCTTCGCATTATCTGGATCTAAAAACCAACCAGTCAAGATATGTTATATTGGTCATATCATTGTAGC
AACTGAAATCTTTTTGCATAAAAAAAATCCGATTATGAGTTGTCAAGCAATAAAAGTATGCGGATAAATGGA
AGGGTGAAAGAAAGAGAGAAAAAGAATATGAATGATATATCATTCCAATACGTAATATGTAAGGTCTATGGG
TCATCTCATAAAAGGTAGTGTAATAAAGCATTAAAGACTGATGAATTCATAATTAGATGAATCTGTTTCATAGAAC
AAAAAGCCAAGAGCCCCGAGACAATAAAGACTGAGAAGATTGACTCAAAAACAAATTTTATTACGGGCTCC
ATTGTATAATTAAGACCTAACCATTAAATCGAGAGGCGATGGGAACGAGGGAACCCGTGAATACATAATATTCT
ATTGAAAACGAATCCTAATAATTCATTGGGTAGGATGGCGGAAGGAACCCAAGACCAATCCATTATTATGAG
AGGTAGGTTTCATGGGCTAATAACCCGAGAACCAAAACATATATAAAAAGAGTAAATATTCGCCCGCGAACG
TTTCATTTTATTATATTTCTAAATTAGGGTCGATCAAGTATAATAATAGATAAAAAAAGGCAAAACAAATAA
AGATTTGTTATAACCTTAATAATAAAAGAAAAAATAACANAACGAGATTATATTATCTATAATTTTTTAGAAAA
CTATTATAAAAAAACTTATTCTATTATTCTAGAATCTATAAACAGTTTTAGTTTCTATCAA

>trans_s_2069 AY104267|Zea mays PCO085704 mRNA sequence

GACTAGTGGCTCCATGGTTAAGCCCCTCTCATGTTTGTTTTGTTTCAGACCCTCCAGTCTGGGTCTGCGTCTAG
TCTACAGCTTAAACGAAAATCCCTATTCTGTCCAATAGTGGGTAATCGACGACATTTCTCCCCATCTCCTTG
CTCGAAAAAAGAAACGGCTTGTGAAGATGGCATTACAAGCTGCTGGGGTTTCAACGTCTAAGGTTCTCATCC
TCGTTGGAGCAGGGTTAACTGGTTCTGTTGTTTTAAGAAGTGGGCGATTGTCTGATCTGATATCGCAACTTCA
GGAATTACTGAAGGTGTTACTGATGAAGAACTTTCCCTAGCCCTTACAAGTATGATACTGCTGTTCTTGCTG
CACAGATTCGACAACTGACACAAGAGATCAGGGAGTTGACTTTATCTGGTCCTGTAACCGTCTTTAATGGGAA
CTCTTCTTCTGCGGAATTATGCTTCTTACTTGGTACCTGCTGCTGCTGTGGGAGCGATGGGATATTGCTACA
TGTGGTGGAAGGGATTGTCAATTTCTGACATAATGTTTGTGACAAAGCAAAACATGGCAAATGCTGTCTCCAC
CGTCTCTAAACAACTGGATCACGTGCATGAAGCACTGGCTTCAACAAGGAGGCATCTGACAAAGAAGTTGGA
GAACCTAGATTGGAGGCTGGATGAGGAGATCGAAACAACAAATCTCATTGCTAATAATGTGGAGGAGGTTAA
GTCTAACCTTTCTCAGATTGGTTTTGATGTTGAAACAATCCATCAAATGGTCTCACAATTGGAAGGGAACTTG

AGGATCTTGAAAGGAAACAGAATGTCACAAATTCTGGTCTCTGGTATCTATGTCAAGCTGCAGAAGGCGTCAG
AGGTCGTATAAGCGAAAACTCTTCCCAGAAGTTGAGGCAAAGAAGATTTGCACAGTTAA

>trans_s_2070 NM_129635|Arabidopsis thaliana HEAT repeat-containing protein (AT2G40730)
mRNA, complete cds

AGATACTAAAGCAAAACAATGAGAAGGAAATTCAGGAGATACAGCTGCCGGAGGTCTGAATATCCCGTCTC
TGCCAGGAAACGCTAGTTTGCTTGGATGGGCAATGAGCTCCTTAAGCTCTAAAAGGAAAACCTTCTGAACATGC
TTCTAGCGCTCCTGTAAGCTCTAATGCGCCTTTAGCTACTACAAGTTCTGATTCCATCTCAGTTGAAAATGCTCA
AACTACAGCACCTATAAGGGTAAGTTTCGAGTTTCGATTAACTGAACAACATGCAACAGAATCGCCAATTCT
ACTGATGGCTGGGGAGAAGTTGAAAATGGACTTCATGATGAAGATGAGACTGAAAAGGATCGGTGGGATGA
GTTGGAACCTCTCGATGAGCCGAAGCCATCTCCAGCTCTTGCAAACATTCAGGCGGCTCAAAGCGACCTGTA
TCTCAACCTGTCTCACAACAAAACCAAGTTCAAGAAGTACAGCCCGACCAGCTAAAGAGGATGACGATC
TTTGGGGTTCCATAGCTGCCCTGCTCCAAGAGCTGTCTCAAACCATTAATGTAAATCAAGTGCACCTGTT
GATGATGATGATCCTTGGGCTGCCATTGCTGCTCCCGACCTACGACTCGAGCCAAGCCATTGTCAGCTGGTA
GGGGAAGAGGAAACAAAGCAGCCCCTCCAAAATTAGGGGCACAAAGGATTAATCGGACCTCGTCAACTGGA
ATATGATTTTGACAATGGTCGGATCCATATGGGGAGACAATTTCAAGGCTGTAATAAATTTATTCTTTTTCTT
CTTTTAGATTGTCAGAAACATTTTACTCGATATGCATCTCTATTTTTTTATTCAAATTAGTGACTCAAAGTAGA
TCAAACCTTAGATTTTTGCATCTAAAAGACAGCAAATTCACAAAAA

>trans_s_2071 NM_124158|Arabidopsis thaliana AMK2 (Adenosine monophosphate kinase); ATP
binding / adenylate kinase/ nucleobase, nucleoside, nucleotide kinase/ nucleotide k> (AMK2) mRNA,
complete cds

ATAAATGAACCGAAGAATTAAGCTTCCAAATCCAATATAGAAACCAATCGTAAGCATTGAGCTTGTGGACG
AAAACGAGTCGAGGGCTAGTGGCTGTCGTCTCGCTTCGCTAATAGCCTCGAGATCGACTGGAAATTACTGCCG
CCGCTGCTCTGAGTGCCGGACTTTCCGACGAACGGTGGCAGAGGTATCGAAACCATGGCGCTCCATTCCAGTT
TCACAACGGTTGCATACGCGAATCCAGTTTCTTCATCTAGGCAACGGCAACCAATTCATTTCCCTTACGTTTCCA
ACAATTCAATCTCGTGGACTCGTCACTGTCGAGCCCTAAGTCTCCCGTGTTCGACGTTTCTCCGTCACTGAAG
GCTACGTTCTCTCCACTGTAACGGCGCATGCAACACCAGAGCCTCTTAGAATCATGATATCTGGTGCTCCTGC
TTCCGGTAAAGGCACACAATGTGAACCTTATTACTCAGAAATATGGTTTGGTGCACATCGCTGCTGGAGATTTA
CTTAGGGCAGAAGTCAATAGTGGCAGCAAAATGGGAAGCTGGCGAAAGAGTACATGGAGAAAGGACAATT
AGTCCCTAATGATATAGTCGTGCTAATGGTAAAGGAACGGCTGTTGCAACCTGATTCTCAAGAGAATGGTTGG
CTCTTGATGGTTATCCTAGGAGTTATTCTCAAGCAATTGCTCTTAAGGAACCTGGCTTTGAGCCTGATCTTTTC
ATTCTTCTGAAGTCTCTGAAGAAATTCTTGTCGAGAGAGTTGTTGGAAGAAGATTAGATCCCATTAAGGTAA
GATATATCACTTAAAGTATTCTCCTCCTGACACTGAAGAGGTTGCTGCTAGACTCACGCAGCGGTTTGATGACA
CTGAAGAAAAGGTGAGGTTAAGATTTGCAACTCATCACCAGAATGTGGAGGATGTTCTT

>trans_s_2072 NM_116791|Arabidopsis thaliana IBR1 (INDOLE-3-BUTYRIC ACID RESPONSE 1);
binding / catalytic/ oxidoreductase (IBR1) mRNA, complete cds

CCGGTAAATTAAAGGAAAAACCCATTGCCCATCAAACAGTTTTGTTGAACGCAGAGAAAATGGATAATGGG
AAGATTGGGAAACGATTTCAAGGCAAGGTCGCCATTGTCACTGCTTCAACTCAAGGTATCGGCTTCCAAATCG
CTCGCCGTCTCGCTTTGAAGGTGCCCTCCGTGCTTATTCTTCCCGCCGACAGAAAAATGTCGATGAGGCAGTT
GAGAACTCAAAGCTGAAGGACTTGAAGTGTTAGGGATTGTTTGACATGTATCAAATGCACAACAAAGGAAG
AATCTGGTGGAAAAGACTATCCAGAAATATGGAAAAATAGACGTAATTGTACCAATGCAGCTGTCAATCCAT
CAGTTGATTCCATTTTGAAACTCAAAAATCTGTACTTGACAAGCTGTGGGACATAAATGTTAAAGCTTCAGTC

CTCCTTTTGCAGGATGTTGCTCCTCACTTGCACAGAGGCTCTTCAGTTGTTCTCATTTCTCCATTGAACGTTAC
CAGCCTTCTTCTTTATTGGCCATGTATGGAGTCACAAAAACAGCCCTTCTTGGAAGTACAAAGGCTCTAGCTGC
AGAAATGGCCCCTGACACTCGTGTAAGTGCCTCGCTCCCGGTTTTGTGCCAACACACTTTGCTGATTTCTTG
TGACTAATAAAGCCGTTAGGAAAGGGGTTGAATCAAAGACTTTACTCAACCGGCTTGGCACGACTGAAGACA
TGGCTGCTGCCACTGCCTTCCTTGCATCAGATGATGCTTCGTATATTACCGGCGAAACTCTGGTTGTAGCTGGG
GGGATGCCTTCAAGACTGTAGCTCCTTTCCAGTTTATGCTGAAGCTAAGAAAAATTAGCACTGGAGGGTGTTTT
TGTTTTCTTTCTCAGTTAAGAATTCAGAAATAAATATCTATAAGCTTTCTTATGGTATTAT

>trans_s_2073 XM_002327140|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

TCCGAGACCTTCAACCTAACCCCCATCTCCGTCCTCCGCCCTTCGTATGATCACTAATATTTCAAGCCTTCAAAC
CGAGATTGTTCTTCTTCAACTGCCCTGAATGGGCCAATCAACTTCGTCGGCTGCGATTCTTAGCCGCCGCGA
TAGCAATCACAGTCATCGATCTAAGATCAAATCTACGGCTCTGATTTCCCGATGCATCTGGATGAAACCGATG
ACGTTTCAGGAAATAATTCATGGAGCCTCCGACTTTATTTCCGATCTTCCGGATGAGTGCTTGGCTTGATTTTCC
AATCCCTTAGTTCCGTCGACCGGAAGGGATGTTCTCTCGTTTGTGCGCGCTGGCTCAAAGTGGAGGGACAGAG
CCGTCATCGTCTCTCCCTTAAAGCTGAAGCGGATCTTCTCTCTGATACCTTCCCTTTTTACTCGATTCGATGCC
GTTACCAAACCTTGCTTTGAAATGTGACCGTAGATCTACGAGCATCCGAGACGACGCGCTTATCCTCATCTCCCT
TCGATGCCCTAATTTGACTCGTCTCAAGCTTCGTGCGTGCCGTGAATTGACCGATGTTGGCATGGCTGCTTTTG
CCAAAACTGCAAGGGTTTGAAGAACTCTTGTGGATCTTGACATTTGGAGCCAAAGGCATGAACGCGGT
TCTTGATAATTGTTCCGCCCTTGAAGAATTGTCCGTGAAGCGACTTCGTGGTATCACCGATTCAACTGCCGAGC
CGATTGGGCCTGGCATTGCTGGGTGTCCTTCAAAAATATTTGCCTAAAAGATCTTTACAATGCACAGTGTTTC
GGACCGCTATTAATCGGTGCGAAAAGTTTGAGAACTTTGAAGCTCTTTCGATGCTCAGGAGATTGGGATGCGT
TGCTCAAAGTTATCGCAGACCGAGTCACCGGTCTTGTTGAAGTCCATCTTG

>trans_s_2074 EU346699|Casuarina glauca hairpin-inducing protein mRNA, complete cds

ACTCTCTTCTTCAACAATGGCCTCTCATCTCAACGGAGCTTACTACGGCCCTTCAATTCCTCCTCCTTCTCCAAG
TCCTACCACCGCCCTGGCCGTGGCGACAGCGGCTGCGGCTGTTGCGGCTGTCTCGGCTGCCTCTGCAACTGCT
GCTGCGGCTGTATCTCAATCTCATCTGTCAAATCTCATCACCGTCGTCATCGTCCTCGGCATTGCCGTCTTTC
TCTTGTGGCTCATCTTCCGTCCAAATCTCCTCCAGTTCCACGCTACCGACGCCTCTCTCACGCAGTTCAATTTCA
CCTCTCCTAACAATAACAACCTCCATTACAACCTCGCTCTGAATATCACCGTCAGAAATCCGAATCGGAGAATC
GGGATCTACTACGACGTTATTGAGGTTAGTGCGTTCTATGAAGATCAGCGGTTGAGTACGGTGAATTTGAGCC
AGTTTTATCAAGGCCATAAGAACACCAAGTGTACTCAGTCCGTCGTTGTTGGACAGAATATTGTTCTGCTTGGT
ACGGATGGAATTTGTCGTATAATTCTGAGAAGAGCTCGGGGATTTTCAGTATCGATGTGAAAATTAACCTTGC
GGATTAGATTCAAGTTCGGTTTAGTGAAATTTGGACATTATAAACCGAAGATCAGATGTCCATTGAAGGTTCC
TTTGAGATCTAATAGTACTTCTTCTTCTTCTTCTTCAAATGGTGTGTTGAAACCAAGTGCAGCTATGA
TTTGTAATCGTATTAGTCTTAGATCTGAATTTTCTATCATCTTCTTCTTGTGTTTTTCTTTTCTTTCTGGATGTA
TGTGCTTGTGATTATTGATTCTAGATTGCTACCTGTTCTTAGTGAAATCTTATGGATTCAATTTTTCTTTGATTC
AATGTTGAAATTCAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2075 AL161547|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 47

ATTCATCGGATAGAAGAAGAAGAAGAAAAAGAAGAAAAAACTCCAACGATTCCATAATTCAGAAACCAGACG
ATCGGTCAATCCGCGCTCAATCTTTCTCAAGATCTCCATCTCTCTGTGATTGATCAATTCGATCGTTGCA
GTGTGGAGATGCGGTTCTTCAGGAAGATTGCAGGAATTCTAGGGTTTTCAAAGACGATTCTCACGATGTCAA
GAACGAAGATGACGATGTTGATTCCGATACTCATGCTCCTGATCCCGTCCATATGCAGGCCACTGGTCTTCCTC
GTAGGGGCTTCAGCGTCCCAGTTCAAGTCGCGTCAATCGCTCCAACCCCGGCCCTATTCTTCTTCCCTCTAGTT

CCGGCGATGGTGGAGTTCAGGGTTTGACATGGTATGCAAAGGGTCTTCGAATTGATGAAGATGGAGATGTAG
CCGAACAGTTCCTGGAGGAGGTAATACCCGAGGTGCAAACCAGTACTACAGACCATCCGAAACCATTTCACG
ATTCAGATAAATAATAGAAATAGACCAGCTAAAGTAGAGAACCAGGTTATATTGAAGGAAGGCAAACCTTCA
ACAATGTATTGAACATCAAGGTAGATTGTTATTGGTATGAAGAAGACAAATGAAAAAAAAACCCCGAGAAAT
GATTCCTTCAGCCATTGGTGTCCAGGTCATTCTTTTAGTTTATTTGCCCATGATGGTCAATTTATGAGGATAA
TCTGTCTCATTTTATGATGACAAAAAGAAGAAAAACATGGCTTAAAGTACAGTTTGCATAAACTTTATTAAGGG
GTTTAATTTGTACTACTCTGATCATTCTGAAAAAAGGTGTGAAAAGCCCTACAGGTGGAGATAAAGAAGAAT
ACAGAAATGGGCACTAACACACTAATTATTTGAATCTGCAACTTTCAGGGTGTGGTAAA

>trans_s_2076 AY349419|Hevea brasiliensis farnesyl diphosphate synthase (FDP) gene, complete cds

ATAGGAATACAAAATACCTTTGCACTCTCTTACTTAGTTGTACCAATTTGCAATTTCAACTCGCATATGAGAATT
TGCATTCTCTACATTTCCATCTTTGACATTCAATTTTCAAGCTAGATCGATTCTTCATTCTTCTAGGTTTTCTTT
TCATTTCTCTATCTTGCTCTGTGTGTCTTCTTCATTTCTCCCTCTTCTATGGCGGATCTCAAGTCAACCTTCCTC
AAGGTCTACTCGGTTCTGAAATCTGAGCTTCTTCAGGACCCTGCGTTTGAGTTTACGGATGCTTCTCGCCAATG
GGTCGAACGGATGCTGGACTACAATGTGCCTGGAGGTAAGCTTAACCGAGGGCTCTCTGTTATTGATAGCTAT
AGATTATTGAAAGAAGGGAAGGAAGTGAAGATGAGATCTTCTTGCTAGTGTTCTTGGTTGGTGTATTG
AATGGCTCCAGGCTTATTTCTTGTCTCGATGATATTATGGATAACTCTGTCACACGACGTGGTCAACCTTGCT
GGTTTAGAGTACCCAAGGTTGGGATGATTGCAGTAAACGATGGAGTTCTTCTTAGAAATCATATTCCTAGAAT
GCTCAAAAATCACTTCAAAGGGAAGCCATATTACGTTGATCTGCTGGATTTATTTAATGAGGTTGAGTTTCAA
CAGCATCAGGACAAATGATTGATTTGATAACCACCATCGAAGGAGAGAAAGATCTTTCAAAATATGCATTATC
ACTTCATCGGCGCATTGTACAGTACAAGACAGCCTATTATTCATTTTACCTTCCAGTTGCTTGTGCACTGGTTAT
GGCAGGTGAAGATCTTGAGAAACATACTGCAGTTAAGGACATTCTTGGTCAGATGGGTGTTTATTTTCAAGTT
CAGGATGATTATTTAGATTGTTTTGGCGATCCTGAAACCATAGGAAAG

>trans_s_2077 AF479625|Nicotiana benthamiana EDS1-like protein mRNA, complete cds

TGCAGCAAACTTGGAGCAACTGCATGCCATTTCGTCTCGATGAATTGGCTAAGCTGCCATTGTCCTTAACAGG
CAGGAACACGCCAATAACTGAAGCGTTGGATGAAGTTGGCCTGAGTACAAGAGCTTTATTGAATCTTCGGGCA
GCAGGCGCATACGAAGAGCAGAAAACGAGAAATAAGAAAGGATGGAATAAGAAACAATATATCGAGGA
TCGATTGAATTGGCTAGAAGAAAATTACAGAGCTGTTTGAAGGTTGATGGTTTCGGATATTACGATGCATTT
AAACTCCAGAAGGATCCAAAAGACTTTCAAGCTAATATCAAGAGACTTGAACAAGCAGGTATATGGGATGAG
ATTGTAGAAATGCTCAAAAGATACGAGCTCCCTGAGGAATTTGAGGGCGATGATGAATGGATAAACTCGGA
ACCAGGTTTCGTCGTCTTGTGAGCCTCTAGATATTGCTAACTACTATAGACATTCAAAGAATGACGACACTGG
TCCTTATCTGATAAAAGGAAGGCCGAAACGTTACAGATTTACACAAAGATGGCTTGAGCATAATAAGAAAATG
TCAGAGCCCAGTGAAGAATCAACTCTTTGGGCAAAGGTTGAGGAGATCCGTATCGAAACCAAAACCAAAATG
TACGCTGAATGTTCAAGAGAAATTATAGAGCTGGAGAAGAAGATGAAGCGATGGGTCAACGAGATTGAAGA
TGATATGCTGTAAAGAAATCTACCTTCATGGAGTGGTGGAAGACACTTCCTGAGCATCATAGATCACAGTCTT
GTATTAAGGATGACATCGAGAGGATGGTGAATGACAACGATTCTACTAACATGATGTAGTCCAACATTAATAA
ACCATTGTACTTGAATAAGACAATCACATTCCAACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2078 NM_120472|Arabidopsis thaliana hesB-like domain-containing protein (AT5G03905) mRNA, complete cds

AAAAATAAAAATAATAATCCACATCCTGATTCTCAATCGTCCCTCCGAGCCCCGCAAGTCTCCATCGCCCTT
CACGCGCCGCCCCGACTCCTCCTGCTCGGTGCTGCCGCCGTGCTTCTCCTTCTTTTCCCATGCCGCGTCGC

AGCTCTGTTCTTCGTCTCTGATTTTTGTTGGCTGCTACACCCTTTCGTCTCGGCACATAGATTTTTGAGCAGACA
AGGATCAAACTTAAGAGAGAGCACGAAGGGATGGGCCCTAGATCACTAATTCAGAGGGTAACACCATACTT
GGTGGCACGTATCAAGGAGAATCAAAGGCTTCTTAGCTCTTCTGCTACAGCTTATCAAGAAGCATCATCGTTG
TCCTCATCTCCATCTCCATCTCCATCTGCACCTGTTGATACCATTCACATGACTGATAGTTGCATTCGGAGAATG
AAAGAATTGCAAGATCCCAAGGAAGAAAAGATGCTTCGCTTGAGTGAGAACTGGGGGGTGTCTGGATT
CAATATGTTTTCAATTTGGATGGAAAGACCACTCCTGATGACAGGATATATGAGAAAGAGGGAGTTAAATTG
GTAGTTGATAATATCTCATACGATTTTGTAAGGAGCAACAATTGATTATGTTGAAGAGCTGATTCGTTCTGC
TTTCGTTGTGAGTACAAATCCAAGTGCCGTTGGTGGGTGTAGTTGTAAAGTTCTTTTCATGGTCAAACAATAAT
CATCTCAAAGCTTCCTTCAATCGGACCCTTTCCTATAAGGCGTACAAGTAATTATCAAACGCTGACCTGAAGGT
ATGATGAGTATGTTTATCACTTATTAGTTACTTCTGATTATAAACTATGTTTTATTTAATCCCATTTTATGTATC
ATTTTATACATTCATATTTATGTACCCACTTCCGTATCATCTGAAAACCTGCA

>trans_s_2079 AY429438|Gossypium barbadense fiber protein Fb34 mRNA, complete cds

AACATATCTGTTATACTTATAGCAATCTTATTCCTTTGCTGTGAAAGACAAAGCAGAGTAGAACTAAAGCAAA
AAAGCTTTCAAGAAAGGCAGGAAGAGAGACAGATCTGCAAAGCTCTTCAGCTACTCAACAATGGCGTCAAAG
CTACTGCTTTTACCCTGCTTTGTTTTGATGTCATTGCTTTGGCTTGGCCATTGCAGCTGAGCAAAGAAGAAGC
ATTGCAAAGATAGTTGAAGACACAGGTGCAAAAAGAACTATTGTGTATATGACTCAGACATTTCAACTGGAT
TAGGAGTTGGAGCATTTCTCTTTCTTTGGCTAGTCAGATCCTAATAATGGTGGCTAGCCGCTGCTTTTGCTGT
GGGAAGCCTCTGAGTCCCGGCGGTTCAAGGGCTTGGGCAGTCGTTCTTTTATAACTTGCTGGGTGTTTTTCT
CATCGCCGAGATTTGTTTATTGGCGGGTTCAGCTAGGAATGCATACCACACCAAGTACAGAACATTGCTTACT
GATACTCCTCCTCTTGTCAAATGTTGAGAAGAGGAGTGTTGCTGCAGGAGCAGCTTTTCAATTTCTTCACTTC
CATTGTTTCTCAGTTCTACTACGTTTGCTATTCGAGGGCCCGGAGAGCTTTCAATCATAACAGCAAAGACACTG
GCGTTGGCATGAGCACCTACAAATGAGCTACGTAAAGGTCGTTTTCAATCACGTTCCACTTCAAGATAGTTTTG
CCTTTCACCTTTTGTAGTTTTTAATCCAGTTTATAGAAGCCTAATAGGTTGTCTTTCTACTACTACTATTCTGC
TGGTATTAGAAGATGAACAGTTACGTTGCAGGACATTATTTCTGTATTCTTTCATCCTTTTTGTATACCAATGGG
ATTTGGTCCTTATCTGCCTCTTTGATATAATTGTATGATGTACTCAAAGT

>trans_s_2080 DQ784686|Capsicum annuum cultivar Hanbyul pectin methylesterase inhibitor
protein 1 (PMEI1) gene, complete cds

ATCACTTCTCCTTCTTTCTAAATTCCTTCCATTTACATAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAGAAAACAGAGATGG
GTATCTCAAATTCAGAAAAGTATCATTTTTTTTCAATTAATTCTCCAATTAAGTCTGATTCATTCAGCCATAAC
TCCACAAAGCAGCACAGAGTTCATAAAAGCTCTTGACAGTTCCACCACTTACCCTCGTCTCTGTTTTTCATCTCT
TTCAGTCCATGCCAATGCCATCCAAACAAGTCCCCGCCTTTTGCCACC GCCGCTCTCTCCGTTTCCCTCTCCTC
CGTCAAGTCCACCACCACTCAAATCCTCAAGCTTTCTCACTCCCATGGCCTCTCCTCCAGAGATGTCTCTGCTCT
TAACGACTGTTTGGAAGAACTGAGTGACTCTGTGACTCCCTCGCTGCTTCCATTTCCGAGATGCCGAAGCTCC
GTGGCAGCAATTCGATCTCGCAATGAGTAATGTTGAGACATGGGTTAGCGCCGCTCTGACCGATGAAACCAC
GTGTAGCGAAGGGTTTAAGGGGAAGACGGTGAAGGGAGGCGTTAAGGCTGCGGTTAGGAGTAGGATTGTC
AACATTGCGCAATTGACTAGTAATGCTCTGTCTTTGATTAATCGGATCGCTGATTTGCATTAGCTGTATCTTGA
AGTGCACCACCTGTCTCAAAATATGACGATGGTAGGTGAATTTGTGTGTACTATATTTTATTGGTGTGTGAGAT
TTGAAAGTTGCAATTGTAAGTATGATATTTAGGTTAGAGGGGGTGGAGTTTTTGTATAGTATTATTTTATAAT
TGGTAATATATAGGTTTAAGTAGTGTACGTGTGGGGATTGGAGTTACTTTGCATTATTAATTGCAAGGAG
CATGTATGTATTATATTTGGATTTTGATTTTATTGAAGTTAAAAATTTGGGG

>trans_s_2081 FJ154118|Arabidopsis thaliana At3g13062 mRNA, complete cds

ATCCATCGCGGGAGGCTTGGTACCCGTCGCTACTGCAGACTTCAGTTCGGTGATGTTCTTATGAGTTAGGTTTC
GGTTACACATGCTTCTGTAATGTCCATTTCCCTCCCTAATTTCTTCTTCTTCTGATTTCTCCGTCATACATACA
TACTCCTATTCAACCCTTTTCTCTGCCACATCCCCGCCCCGCACAGGCTAATCTTTTCATTGATTCTATGAAACAT
GGCTGGTATATTTCAGGCTACGTCCGAGGATCTTTGGCGTGGGACTATTTATGGTAGTTGGGGCACTGTTTTCT
GTTCTCCTTTTCATTGCAATTTGTACCTTTTTTATTCCAAGAAAAATGTTTCTTCCCTTCTCTCCCGCTTCCATAC
CTCCTCTCTTGTGCTGATCGCCACACGTCCTCTCCCTCATGTGAATGTCCTCCGCCATCCAGAATAATGGAGGC
TATTTTCAGATACAGATTTGAAGTCTTTATTGGACAATTTGGATGGAAGGATAAATGAGAATGAGAAATGGGA
ACGTGTTGTAGAAAAAAGTAATGATCATCTTTCATATAGTGCTAAATGCTGCAAGCCTAAGGATGGTCCTTTG
AAATACTCGAGCGTGACAAATATTTGAAAATTGCTGTCCAAAATTGTTGAAAAGACTTCTACATGGACAATGA
CTATAGAAAAACAGTGGGGACAGTACCATGCTTATGCATGAACAGCTACAAATGGATGGGACTAGTGGAATTG
AAGTCGGCCCCACCTTAAAAAAATTTCCATTATTGACGCCGAGGGAGTATATACTATCATGGAGATTATGGGA
AGGGAAAGATGAAACCTTTTACTGTTTTACCAAGGAGTGTGAACATCCTTCAGCCCCACAACAGAAGAAGTAC
GTGCGAGTGACATTTTTCAGATCTGGTTGGCGAATCANGAGAGTATCCGGC

>trans_s_2082 NM_119836|Arabidopsis thaliana HVA22K (HVA22-LIKE PROTEIN K) (HVA22K)
mRNA, complete cds

ATTTTTCTTTTGAGAGGAATTTCCCCATTTCTATATTAACGAACTGCGAGATGCCTATCATTTATTGACGTTTTG
CTACTGATCGGCATCCATTAAATTTTTGACTTGAACCCCAACTTCTTTTCTTTGGATTTTGAATCGTACTTTGTT
TTTATGAATTTCTCGTTTCGTTTTGATGAACATTTGAGCAGCGATTTTGGTTCCAATCGATTAAATGGCTCTTCTCG
GCTCCGCAATTACCAACGAGGTTGGATTGCAGCTACTCCTGTATCCTCTTGGTTCCAATGTTGTTGTTTCGTACG
GCATGCTGCTCCGTAGGGATCGTCTTACCTGTGTATTCCACCTTCAAGGCAATTGAGAAGAAAGATCAAAATG
AGCAACAGAAGTGGCTTCTGTATTGGGCAGCCTATGGATCTTTTAGCCTTGTGAAGCATTCTCGGACAAACTT
CTTTCATGGTTTTCCAGTGTACTATCATCTGAAGTTTGCCTTCTTGTGTTGGCTCCAGTACCGGCAACTGATGGG
GCGAAAAAACTATACACGAGCCACCTGCGTCCTTCTCCTGAAGCATCAAGCAAGAGTGGATAGGATTTTAG
GGTCCGTTTTCTGATGAAATGGTTAAAACCATTAGCAGACATCAAGCAGAGATTCAGTATTTTAGAACAATTGTT
ATGAAAAATATTGGGATCAGACGAACGATCATCAAGGCTTGGATCAGCCAGACCAATGGAGCTGGAAGAAGC
CTACAAATTGAGGATCAAACTCAGATACAGAGTCCGACATAGATGATTGACTTGCTATTGCCACAATTTCTA
TTCGCTTATGTAATTAATAACAATATCAACCCTATTTCTTGGATAGGTAGCTGCTTGTAATAATTGTCCATCAA
ACAGTTTCTCGTCCTTTCAAATCGAAACAGAAAACTAATGGAAACATA

>trans_s_2083 BT005865|Arabidopsis thaliana At1g23710 gene, complete cds

AATGGAAGTTAGAGCTTCATAAAATTTGTGGAAAATTGAAAGAATCTCAGTCACTACAATGATGCAAAGAGGT
GAAGGTTCACTACTTCTTCTCTCTCCCAGCTTCAGCAGTTACTCTCCGACAGATTTGCCGAAATCGCCGCC
CGTGTGCTCGAGGAATTCGTAAAGAATCCGACACCGATCCCGATATTTTCAACTGGAAACCTGATTCCGCTTC
TTCTCTCCATTACGGACCCGAACCGGGTGAATTCAACCAAATACCTCAAATCCTACACGGCGGTAATGCTGAA
ACAGAGACTTTAGATGAAATTGCGGACGATGAGTTTCAATTGCGGGTCGTTTCTAGGGAGCCGGAAGAGGTA
ACCATCTCAGCTGAGGATATCTTCTACAACGGTCAAATTAGACCGATTTATCCTGTTTTCAACACGAATCTTCTG
TTGAGCGATTGATTGTAGATAAGAACAATAGCGGCAACGACGTTGACGTCAAGCACGACGATGAAAACCTTG
AAGAAATCCAAGCCAAAGAGAGTACATCGACCGTCTCTTGGAAAATAATGAGCGAAGAGCGTGAGACGAAT
TCGTGTTCTTCGTCTGAGACGGAAGAGCTAGACGGAGTTCTTCTGGAACGTACTGCGTATGGACGCCCAAGG
AATCGCTCGAGAGATGCAAAAAGAGCAATTCTATGGGATCATCGAAGAGATGGAACTCCGAGACCTTCTAT
ACAGAAGCAGCAGCGACGGAAAGGAAACCTTCGTGTTTTTATCATCAAGCAAAAAGAGTCGAGAAATTCGCCG
AAATCCCAAAGGAAAAAGGTAGTACCGGTAGCGGAAACGAAAAGTCCACCGGAAAAAGTAAATCCAGCAGA
GTCGCCGCCGCTGCGGCTGCGACTGCGACAGCTACCAATGTGAGTCCAACGGCGACGGTAGAAG

>trans_s_2084 HM051059|*Salvia miltiorrhiza* ADP-ribosylation factor mRNA, partial cds

AGAAGGCCATTATAAGAAAGGAAAAAGGGTTGCGGTAAGATATTGTGATCTCCCCTTCCCTTCAGATCTGTC
TCCTGAAGGCCCCAAATTCAAGAGTTCTGTGATTGTTGCTCATAGAGGGAAGAAGAAATGGGGTTGACCTTCA
CGAAGCTCTTTAGCAGGCTCTTTTCTAAAAAGAGATGCGTATTTTGATGGTGGGTCTCGATGCTGCTGGTAA
AACGACGATCCTGTACAAGTTGAAGCTCGGAGAAATTGTTACCACCATTCCAACATTGGATTTAATGTGGAG
ACTGTGGAGTACAAGAACATCAGCTTTACCGTTTGGGATGTTGGTGGTCAGGACAAGATCCGTCCACTTTGGA
GGCACTATTTCCAGAATACACAGGGCCTTATTTTGTGTGGATAGCAACGATAGGGACCGAGTTGTTGAGGC
AAGAGATGAGTTGCACAGGATGTTGAATGAGGATGAGCTTAGAGATGCCGTTTTGCTTGTATTTGCTAACAAG
CAAGATCTTCCTAATGCCATGAATGCTGCAGAAATACTGACAAGCTTGGTCTTCACTCTCTTCGCCAACGCCA
CTGGTACATTCAGAGCACATGTGCGACATCTGGAGAGGGTTTATACGAAGGTCTAGACTGGCTTTCCAACAAC
ATTGCTAGCAAGGCCTGAAGCGAATAAATGATTTTGGTGGTTGTTCAAGAATTTGTTCAAGATTTCTTCATTCTC
TGGGACCAATAGTTTTCGTTAATTTCACTGATAGTTGGGAAACATTTGGCTAGACCTTAAATGTACTCCAAG
TTGTCAATTGCTTCTTTAAGCTTAACTTCTTAGCTCCTAGAAGTCCATTATTGTACTGTTTTCCATTCAATACCA
AGTTCAATTTTATCTAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2085 NM_001056374|*Oryza sativa Japonica Group* Os03g0297700 (Os03g0297700)
mRNA, partial cds

ACAAGCTGCACAAACCCCGCCACTCTCACAAGCTGTACAAAGAGAGAAAACTCCGGTCCTCTATTGCTTCA
AGGTTCTTTCACAATTTTGATGCTTCGTCTTGCTCCAAATCTTCTTCGAAAATCTCAAGCAGCCCCGTTTCCTC
AACCCCTTTCATCGTTTTTCCCTTTCACATTTCTCAACCTCGATCTGTTACAGCAACAGTTGCTGTTACGCTTC
ATCGCTGGCTCTGCTTCGAGCCCTAGCCTCTCAATATGGAGGAGGAAGAAGGAGATGGGCAAGGAGGGTCT
GATTGTAGTCAAAGAAGTCAAGAGACTTCAGTCCAATTTCAATTCGCTCGACCGCTTCATTTCTCCCATGTCTC
TCGCTTGCTCAAGTCCGACCTTGTTGCGGTTCTTGTTGAGCTTCAGAGACAGAATCATGTCTTCTCTGCATGA
AATTGTATAACGTGGTTCGTAAAGAAGTATGGTACCGGCCCGACATGTTCTTTATAGAGATATGCTGATGAT
GCTTGCAAAGAACAAAAGGGTAGAAGAAACAAACAAGTTTGGGAGGATCTGAAAAAGAGGGTGTGTTAT
TTGATCAGCATACTTTTGGAGACATTATTCGAGCATACTTGATAATGCAATGCTCTCTGAGGCCATGGATATC
TATCGTGAAATGAGAGAATCTCCTGATAGGCCATTATCTTGCCTTTTCGTGTCATTCTTAAGGGCCTTATTTCCA
TATCCAGAATTGAGAGAACAAAGTTAAAGATGACTTCTTGAGCTCTTCCCTGATATGATCGTCTATGATCCACC
AGAAGACTTGTTTGAAGAAGATGAAGATAGAAACAAGAGTGAAGATGATTAATAAAGAATGCTGCTCT
TGCAATGTAGCCTTAAGTTTTGAGTTTCGATGTGTCTGTATAGTTTCAAAAAT

>trans_s_2086 GU295067|*Gossypium hirsutum* RNA helicase-like protein mRNA, complete cds

ATATTTGTGCGAACAAAGAAACAGTGCAGGCATGTTACATAAGGCACTAGTTGATCTTGGTTATGAGGTGACTA
CTATTCAAGGGGCATTGACAAGTAAATTAGAGATAAAATAATAAAGAGTTCAAGGATGGTTTGACCAAAG
TTCTTATTTGACTGATCTTCTAGCTCGAGGCTTTGATCAGCAGCAGGTCAATCTAGTTATCAATTATGATCTTC
CTCTTAAATATGAACCTTCTCCACAAGCAACAAAATATAGATCTTCCCTCGTTATCTGAGCCTAACTATGAGGCG
TACCTTCATAGAATTGGTCGGGCAGGTCGTTTTGGGCGCAAGGGAGCTGTGTTTAACTTGCTGTGTGGCGATG
AGGAAATCATGCTAATGGACAAAATTGAGAACCATTTTCGCTCCGAAATAATAGAGGTCCGAGACTCCGATGA
AGACATTCAAGCAGCCTTAAAAGCTGCCGGATTGGTTTGATGTATAGAAATGAGTTTATCATAGTTGATTTC
GCACCAAAGGCGATAAACACATGGAACAGTTGGATGAAAAAAATGGATTGAATCAAAACGGCACTTGCCA
GTTTTTTGTTTTGCTTTGACGTTGAAAGGAAATTACATCTGGTTGAGGTATTCGGTGTGTTTGAGTTTGATATT
TCTGGCGTATGGTTAGACTGTTGTATATTTGTGATGGTCACGGGAGAGCATCACAAGTTAAATGTCAAATTTCT
GTTATTTAAATTCTAGAGATATGTATCTTTATGGACCTTAACTTTACATTTGTTTAAATTTCTGAACCTCTA

TTTTGTATGCATTAAGGTAAATATGCATTAAGGAATTATTTATATTGTTGCCTTCCTATAATTTTAAATTTTAA
TAAGCTTCATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2087 XM_002878418|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-
containing protein, mRNA

CTTTGAAACAAATGGTGAAAGTTTCCATTGTCAAAGCTCTTTTTCAGCCATTTCTTCAAGCAAGGAAACCAT
GTTTCAAACGCTTGTCTTCCCCAAATTGTCATCATCATATTGTAAGTTTTGGAGTCATGGGCAAATCCTGGC
TTCTGAGCAGCCCAACAGAAGAATCGAAATGCCGTTTTTCGAGCTCGTTGAACCTTGCTAAGACCTCCAAAA
CCAGATCATGAGATAATTTACTCCACATTCATCAAGAACTGCCTCCATGTTCTATCTAAGGCAAACAATTCGT
CGATCACCTTGCATACGCGATCGACTTCAGTCGAATCCACCCTCGAATCACACTCACGATCATCATCCTCACTCT
TCTCACATTCAATTTGAGAATCAGAATCAGAATTATTCAAATCGCAATAGCCTCTAGCTAATAAATCAAGACTA
GGGAAGAGGGGATTTCTGAAATCAATCGTTCTTGAAGGTGGAACAATCAACAATTTTTCTTGAGGAACAGAG
AATGAAGAGGCGTATGGCAAAATAAATGGAATTTGACAATGAGAAGAATGAAAACACGATGAGAACGAGA
ATCAACATACTAAACAAGGACAGAGCTACAACCAAGAAGTCGATTTTCCATCTGAATCTTCGTCCTTGTC
GTCCCATCGTTCTGTTGAATCCAGTATCCGGCATTGTAAATGCCTGCCGTGAAATCGGAGAAATTTGAAGCTCTA
CGGAGGGTTATTAGAGATAGAGACATCGGAGTGCCATGAATTTGATGAAGGAGGAGTTGATGGAATGCGTG
GGAGAGTCTAAATCGCCGGAGGTTACGGCGGTGGAATAATCGAGTGGAATAGCGGAGGGATTGAGATTC
ACTGTGTAGTGATGTTGTTGGCGGAAGTTGATAGTCATAATACCTTACCCTCAAGAGAT

>trans_s_2088 HM122454|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH16)
mRNA, complete cds

ATCCTAATATGGTCGATCATCGGCCAGCACTACCCTCAAATCCCTAATCTTTTTCGATTCTTGTGTCCTCTAAAT
TTCACCTTCTTCATTTTCTCCCTCCTCAACCGTTCGAACCCTAATCCTAACTCTCCTCTTCTAAATTTCTTTCATT
TTTCATTCCCATCATTTTTCCAATTGTTCTGGTCGGATTTTATTATTTTCCGACAATCTCGCGTTCCTTTTTTCAAT
ATTTGTTTGAGAAATGGTATCCCCGAAAATCCCAATTGGTTGTTTGATTATGGTTTGATCGAAGATATCCCTG
TACCCGATGGGAATTTCCCGGTCACGAGCTCAAGCTTCACTTGGGCTATTAGCCCTTTAACGGCGCCCATGAT
ACCGGTGTGGAAATTGATGGATCGTTGGCAGATGTGGATGGCCGTCTAGAATCAGGCTCAAAGAAGCGGGTT
AGATCTGATTCTTGTAGTGCATCAAGCTCCAAAGCATGTAGGGAGAAATTGCGGAGGGATAAGCTCAATGAC
AAGTTTCTGGAACCTGGGCTCCATTTTGATCCTGGAAGACCACCAAACTGACAAGGCTGCAATTTTAGTTG
ATGCAGTTCGAATGGTGAATCAGCTGCGTAGTGAAACACAGAACTAAAGGAGTCAAATTCTAGTCTCCAGG
AGAAGATCAAAGAGTTGAAGGCTGAGAAGAACGAGCTTCGTGATGAGAAGCAGAGGCTCAAGGCAGATAAG
GAGAGGCTAGAGCAGCAAGTAAAGTCCATGCCTGCTCAACAACCTGGCTTCTTACCACCAATACCCACATTTCT
CTGCTCAGGGTCAAGCTCCTGGCAATAAGTTATTTCTTTCTGTTGTTACCACCAAGTGTACTATGTGGCAA
TTCATGCCACCTGCTGCGGTGGACACGTACAGGATCACGTACTCCGGCCA

>trans_s_2089 XM_002307948|Populus trichocarpa tubulin folding cofactor (TFCFB), mRNA

GAGTGAGGATTGTGCTAAAGTCATCAAACGACTCTCAAATGAGTGTCTAAGCGAAAAGAAGCTGCAAAAGAA
CACAACATATGGCGTCTCGATTGCAGCAGATCGAAAAGGATGAATCCGTGCTCTTGCGTGTACCCATGCCAAT
CTCAAGTCCTTACATCCGATGTTGTTTTTCCCTTCAGATGAGCGTGGAGTCTGTCAAGGAAAAATTGTGGAG
AAAATGTGGTACTTCTGTGAACTCTATGTGCCTCGAACTCTATGATGATTCCGTTCTAAAATTTCCGATTTGAC
GGATAATTCCATTCCCTTGGGCTTCTATTCTCCCTTAGATGGGTACCGGCTGCATATTATTGATCTTGACCCCTC
ATCAGTTACTTCTGGTGGTTGGCTTGAAGATACCTCCCTAGTGGAGAAGTTCAGATCTCTGAAGAAGCCTAT
GATAAGCGTGATGACACATTTAGAAAATTTAAAGAAAAATTGGCATCCAGAATCCTTCAGCGTTTGAGAGTA
AAATATCTGATAACTACATGGAAGAGCTCTGTGCAAATATTAAGGGTAAAAGGGATCCACTATTTCTATTGCTC

TCCTCTTCATGGTGCGATGGTTAGGCCCGACAAAGTGAAGGTTGGCAACTATCCTGAACGGGACCCTTTTCGAC
GATGAAGAAGATGAGATATGAACAGTTCATACTCAGATTGGTATTTGTAGCATTTGTGGAAGTAGCCAACCTA
CTTTCTGAAGCCTTGATGAATTGTTGATTTCTTTTCAAAGTAATAAAGACATTTTGAGCTTCAGATGGCTTTTGC
TCATGGTGGTTTGATATGGTTTCACGAGCTTTACTTAAAGGAAGCTATTTTTTCTGCTGGGAATTTCTCGAGAG
AAAACATAAAGAAAACATGATGACGTTTCAGATCTTCGGGTGATGTTGTATTGA

>trans_s_2090 BT006277|Arabidopsis thaliana At3g56360 mRNA, complete cds

GAGAAGAATTTGTATTTTCGTTTTCGAGTAACGCGATTGGTGTATCCTTTTCGAGAAAAAATTGATTTAATCC
TTTCGATTTAACCAGTCTCGTTGCCTCCTCCACCGGCGCCGTCGTTGTTGAATCAATCACAATCTGACTTTCCA
ACCGAAAAGCGATTTTTCAAGAAATATTAGGGAAGGCAATCAATCGTCTTCCCCCATCGTTCAATTGTTCTTTA
ATTTGTCTCTGCAATCCAATCCAATCCAATCCAATCCAATGGCTTCTTTAGGAATTTCGATGTGGAGGAA
ATTGCGGTGTATTGAATCTTAACAACGGATGCGATCACAAGCATTCCCTCCTCCTCGTTCTCTAGTCCTTTCCA
CCGCAAGATTAAGGAAATCGAGGAGTTACATTACCGCGATGAAGAGTTTAGAGCCGGTGAATCGAAGAAAAA
ATGGAAACGATGAAGTAATTTCTCGCGAGAAGTTAGATGAATGGATGAAGGAATCAGTGGTTGACATTGTGA
AGAATCTTCGAGAGGCACCTCTGTTTGTCCGATTTTACAAAGAGAATGGGAAAACGGCGAGATTCGAAACGG
AGAAGGGGGTGGAGGAATATAGATGGCCGGTCTTGAAAAACAATGGAAAAACGGAGCAGAACCGACGCC
GGAAGGGATCATATTCGTACAAAAGCTTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAGGGGGAA
GAAGAAGTTGAAATGGAAGGGGAATCGAAGGCGTGGGGGATTGTAGTACAAGGGAGAGGAGTCGAAAGA
GGAGCACCGGTGTGTTACTTGTGAAGACGAGTAGAGCGGCGGGGTTAGGGCTATGGTGTACGCATTACTGC
TTGGTTAGGGTAAGAATTCAGAGAGACGACGAAATCGCAGCTTCAAATGTTGGGTGATGCATAATC

>trans_s_2091 AL161515|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 27

ACCACAAAAAATAATTCCTCCCATCCCCAAAACCCACAAAGAACTCAAATCCCTCACCGGACTCGTCATCAAT
GGCCGCTCTTCACCAAACCGCCGCCTCTCTCAGGCCAAGCTCCTTCCAACCGCTCGAATCTCCCGAACCCTC
CCGTAAACCTCTCCTTCTCTGCCACTTTTCTTCTCGCGGACTCCGCCTCGGCCAACACCGCTCTCACGGCGGCG
CAAGAATGTCGGCCACAGCCGCCGAAGCTACGCTGCAGCACTAGCCGAAGTGGCAGCGTCGAACAACACAC
TTGACGCCACAAGCAGTGACGTGGAGAAGATTGAGAGCGTGTTTCGCGGATCCACAGGTGTTGGATTTCTTCTC
GAATCCAACGATTAGCGTGGAGAAGAAACAAGCAGTGGTGGACGAAATCGCTTCTTCGTCCTCTCTACAGCC
GCATTACGCGAATTTCTTGAAGATCTTGGTGGATGCGAAGAGAATCGACATCCTGAAGGAGATAGTTACGGA
GTTTGAATTGGTGATAACAAGATAACGAACACGGAAGTTCGGTGGTGAAGTTCGGTTGTACAATTGGAGCA
GCAACATTTGGCACAATCGCGAAACAGGTGCAGAAATTGAGTGGAGCAAAGAATGTGAGGATAAAGACGC
AGATTGATCCAAGTTTGGTGGCTGGATTACAGTCAGGTTTGGGAATTCTGGATCCAACTCATTGATTTGAG
TGTTAAGAAACAGCTTGAGGAAATTGCTGCTCAGCTTGATCTTGGCAATATTCAACTGGCTGTATGAAATTGA
AATGCAAGTGCAATTTGTGATTTTATTTATTTTGTGAGTGGTAATTAATAATTATGGTACTATATATATA
TATATGCAATATAATATTTTGGTGTACTTTAATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2092 AY058069|Arabidopsis thaliana At2g46080/T3F17.27 mRNA, complete cds

TGACAGCTCTTCTCATTTCCACCACGCGAGAATTTCAACGTTTTTCTGGCTGCGATAGTTTCTTAGAAATTTCC
TTTGCTTTCTGATTTCTGAATCTGATGTTTGGGGTTGATTTCTTGTGGATTTTTTCATTCGCTGCTCTAAACGAA
TTGCTTGTTCTGATAGATCTACGAATTGTTAGTGTTACATAATGAGCAAACCACAAGAGCCGCACCGGCCCTTCTT
TCCTTTTGGGAATCCTTCCGCGCAATATACCAAAGGGTGCAAAAGTGTCTTCTAGACTTGTTTTCTTTTAGC
TACTTTTGAGGATTCCTTGGCAGAGAGGCTGAAGAAGCTTACTCCAAAATCAGAGAATGACATACTCAGCTTC
TCATGGATGGAATTAGCAATGAAGCTGCTGCGTGAACTCACAATAACGTAAAAACCTTATAGAAGAGCTTG
GGTCCCTGTGTCTGAGTGGGATGAGAAATGGCTAGATGAGTATCTGAATATCAGTGTGAAATTACTTGATAT

ATGCAATGATTTTAGCTCTGAGCTCTCACAGTTGAATCAAGGCCATCTTATACTTCGTTGTGCCTTGACAATCT
GGAATCTACATCTTCCAACCACTGCTGTTCTGCGCCCTTCTTCACTAGATGCATGGAATCAACATATTAGTTCCAG
AACCTCTAGAGTGGATAGCGGTTCTCTATTTTGGACGGTCTCAAGGAATCACTTGATCTTCTAAGGTTAAGA
ACTCATCCAAAGGCAAGGTTTTGATGCATGCGTTGTACGGAGTGAAGGTGGTGACTTTGTTTATTTGCAGTGT
TTTTGCTTCTCTCTCTCANGTTCTTCCGAATGGTTGTACCCACCAATGTTCCGGATTCAATCAGATGGGCAAG
CGCTTTTACCGAACTACAGATGCGCACGGGCGCAAGAGCTGAAAAA

>trans_s_2093 AY050366|Arabidopsis thaliana At1g12830/F13K23_6 mRNA, complete cds

AACATTTTTATTCTCATTTTTGCCCCAAACCTTGACGCAACTCAACCCCTCAGGCCTTCAGCGCTCGCAATCCC
TTCGGCATTACAGACCTTCACATTCGGCAACGTTTCAAGAACCTCGCACGTTTCGGCCTTCACATTCGGCGCAA
CGTTTCGGCCTTTGCTTTCAATCTCACTCTCTCCGTTTACGCGCCACCGCCGCTCTACCGGTTTCGAAGCTTCTT
CAATTGTGTACCGGTTTTGCACCAAATTAATGGCGGAAATTACCAATAGAGAGGAGGAGGTGCGATTTGATT
AAATGGCAGAAATTACCAATAGGAAGGAGGAGGTGCGATTTGATGCGAAGCGGAAACCTGCTGATTCTTGCT
TCCAACCGAAAGAGGAGAGTTTGAACAAAATTCAGAAGCTCGAAGTGGTTGAGGGTGAAGAATCCTGTAATT
ATGTGAAGAACAATGCCGAGAATGGTGACCATAAGGGAAAGTATGAACAGATTGATAATGTTTCTTCTACGG
TTCTGGAAGGGAAGGATGACGATGGAGTTGATGGAGCTAGTTTAGATGCGGGAGATGAGGAGGAGGATTAT
GAGGGATGAAGACGATAGNTGAGGATGACGAAAAATCGAGTGGGAAAGTGGCTGCGGATCGGAAGGGGA
AGGGGATTATGAAANGATGACAAAGGAAAAGGGAAATTGATAGAGGAAGATGACGACGACGATGAGGATT
CCAGTGATGATGGAAGCGACTTGATTCTGAAGAGAGCGATTTGTCTGGATGATCCACTTGCAGGAGGTGATT
GGGACAACATCCTTCTTTCAGGACAAGGAGGCGAATGGTTTACCCTGGAGTTTATTTCTGCTACGGATCTGGCA
AACGACGACGATGATAGCAGTGATAGCGATGCTTGAAACGTTCAAGAAGGTCATTAAATAAGCGCAAT

>trans_s_2094 NM_180719|Arabidopsis thaliana RHF2A (RING-H2 GROUP F2A); protein binding /
zinc ion binding (RHF2A) mRNA, complete cds

TTTTCTCCCTTTTTCTCTCTGATTATCATTTTTTCTTCTTTCTTCTCCTCAGTGGATTCTGGGGGTATTAAGGATTT
GTTTGATATGTTCCCTAGCAGCAGAGATTTTCTCTGGGTTTGGGGAAATTTTCTCATTTGAAGCGCGATCTGA
TACTTTCTATGGGGTTTTTGGTTGAATTTCTTCAACCCATCGTCTGGGTAATTTTCAATTTGTTATCGAGTTTT
TAGATTTTGGAGATGGAAGAAGAGAAGGATTCTGAGAATCGTTTGACATCAGCTGCTGCTTTCGTGGAAGGG
GGGATTCAAGAAGCTTGTGATGATGCTTGTAGCATATGCCTTGAGGATTTTGTGAAAGTGATCCTTCTACGG
TACTGCTTGCAAACATGAGTTTACCTCCAATGCATCCTTGAGTGGTGCCAGAGAAGCTCTCAATGCCCTATG
TGCTGGCAATCTATCAGCCTCAAGGACCCACCACTCAAGAGCTGTTGGAGGCTGTTGAACGAGAGAGGAAT
ATAAGGGCTACTCCAGTGAGAAATACTGCTGTGTTTCATCATCCAGCTCTTGGGAATTTGAGTTGCAACATCT
ACCTCTTGGTGTTAATAATTCCGAGCTTGAAGAGCGAATAATTCAACACCTGGCTGCAGCTGCTGCAATGGGG
AGGACACACCATATTGGTAGAAGAGAGGGAAGGAGTAGGTCATCATCTCATGGACGTCCTCACTTCTTGTTTT
TCTCCACTCATCTGGTGACCTCCCGAGCATGTCTCAGCCTCTGGAGTACACACTGAGCCAGCCGGTATTACC
GTTGCTAGCCCATCTAGCCCACTAACACCTCGTGGGGATGAACCATCACATCATATTGCACAGTTTCTTCTATT
CAGACAGATCATGTTTCTCGTTCAGCATCTGGATCTAATTTTCAGCCAGT

>trans_s_2095 XM_002870855|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

AGATATGGATGCAAGTCCTTAAAGAACTTGATGTATCGAGTTGTCCGAATATTAGTCCTACTGGGCTATCTTC
CCTGACCCGCGCTAGTGCATCTTTACAGCAGCTTACTTTAGCGTATGGCTCTCCTGTGACTCTTGCTCTGGCTAA
TAGTTTAAAGAACTTGTCATGTTACAATCAGTCAAATTGGATGGCTGTGTTGTTACTTATGATGGACTTGAAA
CCATAGGAAATTGCTGTGTATCACTGAGTGAAGTGAAGCTTAAGCAAATGTGTTGGTGTGACTGATGAAGGTCT
CTCCTCCATCCTGAAAAAACACAAAGATTTGAAGAAGCTTGACATAACTTGTTGTCGCAAGATAACTGACGTTT

CTATTTCAAATCTTACCAACTCTTGTACCGGCCTAACTTCTCTAAAAATGGAGTCTTGTTCTTGGTTAGCCGAG
AAGGATTTATCCTGATTGGACGAGGATGTCATTTACTTGAGGAGCTGGATTTAACTGACAACGAAATCGATAA
TGAAGGTCTGAGATCATTGTCTAGGTGTTCAAAGCTCTCCATCTTAAAGCTTGAATTTGTCTGAATCTTAATG
ATGAGGGACTTGGCCATATCGGCATGTGCTGCTCCAAGCTTTTGGAGCTAGATTTATACAGGTGTGCAGGAAT
TACTGATTCTGGCCTTTTGGCAATCATCCATGGTTGCCCTGATCTTGAAATGATAAATATAGCATATTGTCGTG
ACATCACCGACACGTCATTTTCAACCCTTCGTAAGTGCTCGAGGCTAAAGACAATAGAAGCTCGAGGATGCCC
ACTTATAACATCTTCTGGCTTAGCAGAAGCTGTGGCAGGATGCAAGTTACTGAGGAGATTAGACTTTAAAAAG
TGTTGCAATGTTGATGATGCTGGCATGATCCCTCTTGCTCATTTCTCTCAA

>trans_s_2096 AY110064|Zea mays CL27003_1 mRNA sequence

AGGAATCGAAGGAGCTACTCTAGGAGTCTTACCCCATCCGAAGGCCAAGGTCACCGACATCTGATAGAGGG
ATGAGTGCATCAAGAAGTGTCTCCAGAAGGGTCTCAAAGCGCATCAGAAGGGGGCGTGGTTTTAGTGAG
CGTTATTCATTTGCTCGTAGATACAGAACACCTTCTGCATCTCCTGTCAGGTCATACCGTTACAGCGGAAGAGT
TGAACGTGACAGATATTCAAACACTACAGAAGATATTCTCCTAGGCGCTATAGAAGCCCACCGCTAAGATACAGG
CACAGAAGAAGCAGGACTCCCTCTGCATCCCGTAGTCCTCGTTACCGTAGTCGTCGTTATAGCCGTAGCCGAA
GCCCCATCAGGAGCCGTTCCCCAGTTGAGGGATCCAGGTCTCGTTTGTCTCCTAGAGTAGGTAGGCGGAGATC
TCTTTCAAGGAGCAGATCCCCATCAAATCAAGGTCCCCTGCTGATTCTCAATCCCCAGAAGAACGAGCAGA
AATAGGTCCAGGTGCGCTTCTGCGAGTCCAGTTGGGAAAAAAGGTCTGGTTTCTTACGGTGATGGATCTCCAG
ATTGAGATAGGTGAAAAAGATAATTGAAAGAACGAAGGTGTTGAGCTCTTCTCCTTGTCTCGAAGGAGAA
AAAAAAACAATCCTTATGATTTGTTGAGACCCATCCAAATGGATTCTAGGCTACTGTATTTAAATCCCGGCT
TAGATTTGTATCAGAGTATGCTTCTAGGATATGTAGTGAAATAATATTGTCTTGATCGTTTTTTTTTTCTTTT
GGTATTCAGACAGTGTGTTGTATGTTGTAGGTGCTTGGCCAGTTTGGTAAGATATTCGATATCTTGCCTTGAT
GATTAATAATTTGAAGATTCTACTTGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2097 XM_002873779|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pyruvate decarboxylase family
protein, mRNA

GTTGAAGCAATTCGCAGAAGGCAAAGGACAATGTGGCGAAAATGGAAGTTCAGCTGGCGAAGGATGTTGT
GCCATTCAATTTCTTGACGCAATGAGAATCATTCGAGATGCTATATTGGCTGTTGGTAGCCCTGCACCCATAT
TGGTCTCTGAAGGGGCCAATACAATGGATGTGGGTGCTTCAGTTTTGGTTCAAACCTGAGCCAAGGACCAGGC
TGGATGCAGGAACATGGGGGACCATGGGGGTTGGCTTGGGCTATTGCATTGCAGCTGCGGTTGCTTCGCTG
ATCGTTTGGTAGTTGCAGTGGAAGGCGATTCTGGATTGGGTTGAGTGCATGGAAGTTGAGACACTGGTGC
GGTATGAGTTGCCAGTGGTTGTGATAGTTTTCAACAACAGTGGTGTATATGGTGGCGACCGGAGAACACCAC
AAGAAATTACTGGACCCTATAAGCACGATCCTGCTCCGACCTCCTTTGTCCCATCAGCTAGTTATGACAAAATG
ATTGAGGCGTTTGGTGGTAAAGGATACTATGTCGAATCACCCGAGGAACTAAAATCTGCACTAGCTGAGTCCT
TTTCTGCTCGGAAACCAGCAGTTGTAAACGTCAAGATTGATCCGTATGCCGGTGCAGAAAGTGGAAGGCTGC
AACACAAGAACTGAAGTTAAGTCCTTACTTCTGTGTTGATTTTCTTTGCTTAAGACTCTGTGCAAATGAATTAG
GTTTGCAGCCGAGTTTCAAGCTAACAAGCTTAGTTTTCACTCTCTTTTCTTTTATTTCTTTCTTTTGTAGC
CTATAATCATGTAAATTATGGCGTTCGAATAAAATTGAATGTAACGTAAGCCAGCAGTTGGATAAATGAT
TTAATAGAACTTCAAGCTTAAATCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2098 HM245629|Glycine max AN1-like transcription factor (AN1) mRNA, complete cds

CTTCATATTTCTTCATTTCCATCTTTCTCTCATCCTCTCAAGAAAAACCCAACTCCTAACCCAAATCTTCTCGTT
CTTATCATCTTTCTTTGAATCTCTCCGGGGATTTTTTTTTTTTGTGTTTTGTTTTGTTTTGAGGATCCGAT
CGGAAGCTATGGCACAGAGAACCGAGAAGGAGGAGACGGAGTCAAAGTACCGGAGACGATCACGCTCTGC

GTCAACAACCTGCGGCCTTACAGGGAATCCAGCGACGAACAATATGTGTCAGAAGTGTTTTAATGCTACGACGA
CGACCGCATCTATGGCGATGAAGTTTTCCGGTGAGAAAAGTCCGAGATCTACTATTTCTCGCTCGCCTGAGAA
ATTTCCGTTTCTTTTCTGGAATCTAGGAGGATTATAACGGCGGCTGATCGTCCGAAGCCTGATGAATCGGCGAAA
CGAGAGGTGAATCGTTGTTCTGGATGTAGAAAACGCGTTGGATTGACTGGATTTAGATGCCGATGTGGTGAT
TTGTTCTGTGCGGAGCATCGGTATTCAGATCGTCATGATTGTAGCTTCGATTATAAAGCGGCTGGTCGTGAGG
CGATCGCGAGGGAGAATCCGGTGGTGAAAGCGGCGAAGATCGTTAGAGTTTAAATTCGTAGATCGATTGATT
ACTAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGCGAGAGAAAAAGAATCTGATGATGATTGAAATTTGTGCAAAAAGAAAA
GAAAAAACCTTGGGCTGATTGTTAAAAATTTCTTTGGAGTATTGAAGGATTAATTCCTCGAAATATCCTCTC
GATCGAGAACGAGAAAAAAAATCGTTGATGAAGATGATGATCGTTGTGGTTTCTGAGATAATTATGTTCTT
ATCTTAATTTTCATTTCAATTTTATATTACTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2099 AF117224|Mesembryanthemum crystallinum wound-induced protein W12 (W12)
mRNA, complete cds

AACCGGCGTTTCTCTCTGGTTTCATTTCTTCCCCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCGTAGTTCATCGGAAAGAAAA
AAATAATTCTTGAGGAGTCCGAGGCTTAGGCTAAGGCAAAAATTCTGCAAGAACTGGCTAACTCTCAAGGA
ATTCTGGAGGAAGAAGATTCCAGTAATCAAAGGTGGTTCTCGCCCTGTATGAAGCCTTAAGCTCTCGTAACG
TGAACACCGTTACCAAAATCCTCGCTCCTGATCTAGAGTGGTGGTTCCATGGTCCGCCGTCTACCAATTTCTG
ATGCGCCTTCTACTGGAGCTTCATCCAACGGTCAATCTTTCAATTCGTTCTCAATCAATCACATCCTTCGGC
TCTACCGTCTCTCGTGAAGGTTGCGATCCGAGCCGTTCAATCTCTGGATCCACGCTTGACTATCACGGATG
GGATAATTACACAGCTTCGTGAATATTTCAATACCTCTCTCACTGTGACTCGTGTGGAGATCCGACTGAGTAT
CCGTCTACATCGTCTCTCGGCGTCGGAGATTCGACTGCTCCGTGCTGTCATTCGTTTGGGAA
AGTAGCGTTTCAAATCAGGTAGGAAAATCGGTTCCCGGACTGGTGTGGCCATTTAATTAAATCTCTGATTG
GGTAGGGCCGCAATTGTACTGTAAAAATAAAATAAATTGAGAGATGTGAGAACTTGGGATTGTGCGTCTTT
GGTTTGGTTTGGTTTGGTTTGGTTTGGTTTGGTTTCCGGTTTTATTTAATTTGAAGGGTTTGGTTGTGTGATAGT
ATAGTGTGTGTGGTGGAGTAGGGGTAAGCACCATGGAGATGAGATCGTATTGGTGGATTTCCGATGTATTTG
TAATGTTTATAATAAGGACATGTTCCAATGTTTGGGTAAAAATGGCATT

>trans_s_2100 NM_113195|Arabidopsis thaliana ATARFC1 (ADP-ribosylation factor C1); GTP
binding (ATARFC1) mRNA, complete cds

ATCTCTCCCCAAATTTTATTATTCTTTCTCAAGCTAACGAAATTCATCTCTGAATCGCGGTTAGGGTTTTCTCTT
CTCCATCGCTTCTTCTGTAAACCTCTTCCACCTTCCACTTCCTTATCGGATTCCCCGCATCGATTAATTCAGGCGA
TTTACTGGTGTCTGATACGATGGGGGCCTTCATATCGAGATTCTGGTTCATGTTATTTCCGGCTAAAGAATACA
AGATCGTGGTGTGTTGGGTTGGATAATGCTGGAAAGACGACTACTCTTACAAATTGCACTTGGGTGAGGTTGT
TACTACCATCCAATGTGGGAAGCAATGTTGAAGAACTGTGTACAAGAACATTCGATTTGAGGTATGGGAT
CTTGGTGGGCAAGAGAGGCTTAGAACATCATGGGCAACGTATTACCGTGGAACATGCAGTGATTGCAGTT
ATAGACAGTACAGATAGAGCAAGAATCACCATCATGAAAGACGAGCTCTTCAGATTACTCGGTACAGAAATC
TTCAGCAAGCTGTGGTGTGTTTGGTAAACAAACAGGATCTTAAGGATGCCATGACTCCCGTTGAAATCAC
CGATGCTCTTTCACTCCACAGCATCAAGAATCACGACTGGCATATCCAAGCTTGCTCTGCCCTCACCGGGGACG
GTCTATACGATGGTCTCGGATGGATTGCACAGCAAGTAACCGGTAAAGCACCTAGTTGATAAAGAACTCACTG
CTTGTGAGATTCATTCTTACTTGTAACTTGTGTTAACTCCTCACCTTTACACAAGTCTGAGAGCAGTTTGCA
TCTCTGTTTAAATTCATTTTGAATTCAGAAATGTATTAAATATTTTTTAAAAAAGATGGAGCAATATCAAAA
GAATTGGGTTGAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2101 AF375452|Arabidopsis thaliana AT4g27450/F27G19_50 mRNA, complete cds

ACTCTCTTCTCCTATCGATTTTGATGAACCCATTAATTTCCATTTCTGAAAAATGTTAGCCATTTTCCACCAAACCT
TTTGCACACCCACCTGAGGAACTTAAGAGCCCTGCCTCTTTCAGTGGCTCTAAGGCCCTAAGCTTCCTCAAGA
AACACTCGATGACTTCATTACTCGTCATCCTCAAAACACTTTCTCTGTAACTTCGGCCAAGCCGCTGTTCTTGC
TTATGTTTCTCCCAATCCTTTTCAGTACACCAAAGGCTGTTCTGTGGGTTTGATGAAATATACTGTCTGTTCTT
GGGAAGTTTGAACAACCTATGTGCACTGAATAAACAATATGGTCTATCGAAAGGCTCAAATGAGGCTATGTTT
TTGATCGAGGCGTATAGGACACTTAGAGACAGAGGTCCTTACCCAGCTGATCAGGTCATTAAGGACCTTGATG
GCAGCTTTGCCTTTGTTGTTTACGATAGCAGGGCTGGTGCTGTTTTGCTGCCTTGGGTGCTGATGGGGGAGT
GAAGCTCTATTGGGGAATTGCAGCAGATGGGTCAGTGGTGATATCAGATGATGTGGATGTCATCAAGAAGG
CTGTGCTAAATCATATGCCCCATTCCCAACTGGATGCATGTTCCATAGTGAAGGAGGGTTAATGAGTTTTGAG
CATCCAATGAACAAAATGAAAGCAATGCCTAGAATTGACAGTGAAGGAGCAATGTGTGGAGCTAACTTCAAG
GTTGATGTTTACACAAGAGTTAATAGCATTCCAAGGAGAGGCAGTGAAGCTAATTGGGCTGAATGGGACACA
AACTAGCTACCTACCTGATACACATTTACAATTTCTCTCTCTGTGTGGATTTTGCTGCTGTTTTACAATTTT
ACTCTCTTCTAAGTCCTAACATCTCTTCTCACTCCAATGGCTTGATTTAT

>trans_s_2102 BT009650|Arabidopsis thaliana At5g09310 mRNA, complete cds

AAAAAAGGGAGAAGGAACAGTTTAGCTTTAAGAATTCTGTTTCTCAAAGTCATTGAACTCCTCTTGCAATGG
AGACCTCGCATAATCCAAACGCAAACACCAATTCCAATCCTAATACCATAACGTCGCCAATTCCTGTGTTATGG
CCGACCATTGATGGCTCTCTGGGTTTGTCTGGAGGAAGAATCGGTGAGCTATGCCCGTAGGTTCTACAAATTTG
GATTTGCATTGCTTCCATTTCTTTGGGCGGTTAATTGCTTCTACTTCTGGCCTGTTCTTCGCTCCCGCTCGTTCC
TCGCATCCGACCCTATATTGTTGGCTCAGCTATCGGCTTTGGTGTTTCCATGGCCATTATCTCGTCTTGGGCATT
GACATTTTCCATCGGAGGAGAACGCCTGTTTGGACCTGTTTGGGATAAACTAGTGATGTACAATCTTGCTGAC
AAATTAGGATTAACAGGTTGGAGCTAGTCTGGTTCCTCCCTTCGGCAACCAACTTCAACCTTCTTGATATATC
AAAATCTGTAACCTCTACTGTCAATTGTTTTCTTGAAAGATCAAAGTTGAAGCTTTTGGTTTCCCTTCTTCAAGT
GTTCCAATTGTCGAACATGAACCTTTGCATTACCCATGTTGATTCTTGTTAATAGTTGATTACAAAGTTTGAATC
GGGTCTCCCTTCAACGGCGGACTAAGATTTGTGGATAAAATTCTAAACTGGTTCTTGAATTCTTCTTTGCTTT
CTTTTGTCCCACTTTCAATACTATAAGCCGTGCTCTTTCTGGTTCCCTTACATNCAAACATCCATTTTGAAGG
GTGAAAACATCTTGAAGCAAGTTAGAACTCCCTTAAAATTTCTAAGGGACAGTGTACAGTGATCAACAATCCC
CAAAAGAAAGGTATGATTGTATACTGTAACACTTCTTGGTATGG

>trans_s_2103 NM_001035768|Arabidopsis thaliana ATPQ (ATP SYNTHASE D CHAIN,
MITOCHONDRIAL) (ATPQ) mRNA, complete cds

ATAGACGCCGATATCTGTGTTTTGAGCTCTCAACGAAGGGAAATCAGTTGCCTTTCTCATTCACTCTTTTTCT
TCTTCTTCTCTTTGCTGAAATCCGAGAGACAACAGTTTAGAAAATGAGCGGCACGGTCAAGAAAGTCACCGAT
GTTGCCTTCAAGGCATCAAAGAATATCGATTGGGATGGCATGGCCAAGCTTTGGTCTCCGATGAAGCTCGCA
AGGAGTTCTCATCCCTTCGCCGAGCCTTCGAGGAGGTTAACTCAGCCCTCCAGACTAAATTCAGCCAGGAACC
AGAGCCCATAGACTGGGAATATTACAGAAAGGGAATTGGTTCCCGCTTGGTGGACATGTACAAAGAGGCTTA
TGACAGCATTGAGATCCCCAAGTTTGTAGACACAGTGAATCCACAGTACAAGCCTAAATTTGATGCATTGCTG
GTAGAATTGAAGGAAGCTGAAGAAAAATCCCTAAAGGAGTCTGAGCGGTTGGAGAAGGAGATTGCTGAAGT
TCGAGAAATGAAGCAAAAGATCTGCACCATGACCGCTGATGAATACTTCGAGAAGCATCCCGAGCTGAGGAA
GAAGTTTGACGATGAAATCCGAAATGACTACTGGGGCTATTGATTTGGAAGTAAAGGTTGAAGCCACCAAAG
TTTCAGAATTTAATTTATGAATCTTCCGGGACTTGTTTTGCTGCAGATGTTTTGTCAGTAATAAAACAAACCAG
ATAGTTCCTCCGCAATTTGGTTGCATTTGCTTTCAGAATCATGGTGACGAAATTGATTAGAGAACTGAGTTTT
TTTCTTGAAATGATATTTTGTGAGAGTTCCAAATAACTCTCAAGGTACATTATCATGGAGAATACATTTCTTTT
TATAATAAGATTATATTGGCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2104 AB079577|*Suaeda japonica* mRNA for RelA homolog, complete cds

ACATGGCGCACCTTGAAGTGCAAATTAGAACAAAAGAGATGCATTTGCAAGCAGAGTTTGGCATTGCAGCTC
ATTGGAGATACAAGGAGGGCGACAGCGAATACTCTCCATTTGTCGTTGAGATGGTTGAATGGGCCCCGTTGGG
TAGTCACTTGGCAATGTCTGTCTATGAGCAAAGATGGATCGTCAGTTGACTGTGCTGATTCAATTAGACCGCCC
TGCAAATTCCTTCTCATTCTGAGGGCTGTCCATACTCGTACAAAACCCAATGTGATGGACAAGATGGACCTGT
ATTCGTCATAACGATTGAGAATGACAAGATGTGCGTTCAAGAGTTTCCTGCAAACCTCAACGATCACGAATTTA
ATGGAAAGATGTGGTCGAGGAAGCGCAAGATGGACCTCCCATGGCTTCCCCATGAAAGAAGACTTGAGGCCA
AGAATTAACCACAAGCAAGTGAATGATCCAACGTGCAAGCTGAAGATGGGCGATGTGGTGGAGCTAACTCCC
ACCATACCCGACAAGTCATTAACAGAGTACAGGGAAGAAATCCAGCGAATGTATGACCGTGGGATCACGGTA
TCAAACCCCGGACCGTCTCCTGTTGCTCCTAACATTGTTGGTTTCTGGAGCTAACCATACCTTAGTTTCTCTGTG
GTATACAATTAGTGATTATCAAATTATTCTGTATATAAGGGTCTTTGTACACCAAAAAATGAAAAAGAAAAAA
GATGACTAACTGAAATTCACACCGTTCAAAATCAAATTAAGCACTCTTGTTGGAGAGCATTCTTGAGT
GCTCAATCTTGATGAATTCATTTTCATTAATATGGTTTTCTTTCCATCATTATCATGTACTGGCTTATTAGTT
GTGATTTGAAGACAATTTGAGAACTTTATAGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2105 XM_002894157|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* ATPREP2, mRNA

GAGGAAATCCGCCGATCCTTGCTTTCAAGGGAAAATTGCCTAGTCAACATCACTGCTGATGAAAAAATCTCA
CAGAGTCGGAGAAGTTGCTTGGCAAATTTCTTGATTTGCTTCCTAATCAACCTATCATTAAGAACAGCACTTGG
AATGCTCGGCTTTCTTCAGATAATGAAGCCATTGTGATACCTACTCAGGTTAATTACGTTGGAAAAGCAGCTAA
CATATATGAAACTGGTTATCAACTTGATGGAAGTGCCTATGTTATTTCAAAGTTTATTAGTAATACTTGGCTGT
GGGATCGTGTTAGAGTAAGTGGAGGTGCTTATGGTGGATTTTGTGATTTTGATTCTCATTGAGGAGTATTCTCC
TTTTATCTTATCGTGACCCAAATTTGTTAAAGACACTTGATGTTTATGATGGAACCGTTGATTTTCTACGTGAA
TTGGAATTGGATGATGATACTCTAGCAAAAGCCATAATTGGAACCATTTGGAGATGTTGATTCATACCAGCTTC
CTGATGCTAAAGGTTATAGTAGCTTGTTGCGGTATTTATTAGGAATTACGGAAGAAGAAAGACAAAGGAGAA
GGGAAGAGATTTTATCTACGAGCTTGAAAGACTTCAAGAACTTGCTGACGCACTCGAGGCAGTTAGAAACA
AAGGAGTTGTAGTTTCAGTTGCATCTCCCGAAGATGTCGAACTGCACACAGTGAACGCCCTGGGTTTTTCCA
AGTGAAGAAAGCACTCTAAGATGCGACCTCCAAGCTCCCATTTGTAGAACCATCCCCACTTCCAAAATCTACAA
AGAGAAGAGAAACAAACCAGATTTCAAGTGAAGAAAGAAAAAGAAGAAGAAAGAAAGGAGGAGGAGGAGGAGG
ATTATTGATTCATTTCCCATTAATACTATTATACCATGAACAAAACATTGCATTGTTTC

>trans_s_2106 NM_102530|*Arabidopsis thaliana* ATU2AF35A; RNA binding / nucleic acid binding /
nucleotide binding / zinc ion binding (ATU2AF35A) mRNA, complete cds

AACCAAGACCTTTCCCAAGTTCTTCATTCTCGAATTACGTATCTGGGATCCATTCTCCAATTTAGGGTTTTTCT
TCTGCTCTTCCACTTTTCTCCTGGAAGTTCTAATACAGCTATCGGTTCCGTTTTCTTTAAATTTCTAATTTGAAT
TCCACTTCTTCTCGTCGAAATCCTTTCAACCAGCTCGACAATTGTTGCTGAAATCTCTCTCGTCTGATCTCAAAT
GGCTGAACACTTGGCCTCAATATTTGGCACCGAGAAGGACCGTGTCAACTGCCCTTTCTATTTCAAGATCGGC
GCTTGCCGACATGGAGATCGCTGCTCTCGCCTCCACAACCGCCCTACTATTTCCCCACTCTCCTCTTATCCAAC
ATGTACCAGCGCCCCGACATGATCACCCCGGGCGTTGATGCTCAGGGCCAGCCCATAGATCCCCGAAAGATTCT
AGGAACACTTTGAAGATTTCTACGAAGACATTTACGAGGAACTTGGCAAGTTCGGTGAGATCGAGAGCCTTA
ATGTCTGCGATAATCTCGCCGACCACATGATTGGAAATGTCTACGTTGAGTTAGGGAAGAGGACCAGGCTGC
CGCCGCACTCCAAGCGTTGCAAGGGCGGTTTTACTCAGGTCGACCCATTATCGCAGATTTTCTCCGGTAACTG
ATTTCCGCGAAGCCACGTGCCGCCAGTACGAGGAGAATAATTGCAATCGAGGGGGATATTGCAATTTTATGC
ACGTAAAGATGATTGGGAAGGATTTGAGAAGGAAGCTATTCGGTAGGTACCGGGGATATAGGCCAGCCGG

AGCAGGAGTAGAAGTTTGAGTCCGCGGAACCGGAAAGAGTACGATAGGCGTGAGAGGGATTACAGAGAAC
GTGAGTATCGCGGAAATGGACGGAGCAAGGAGCGTCATGATAGGGATGGGGGGG

>trans_s_2107 AB079024|Nicotiana tabacum mRNA for ras-related protein RAB8-5, complete cds

CATTTTGCTAGTGACGACGTCACGGATGAGTCATCATTTAACAGTAATTCTTCTCTACCTTAAACCAAAGACAT
TAGGAATTGGATACGTAACATCGAACAACATGCTTCTGACAATGTCAACAAGATATTGGTGGGTAACAAGGCT
GATATGGATGAAAGCAAAAGGGCTGTTCTTACATCAAAAGGGCAGGCTCTCGCAGATGAGTATGGCATCAAG
TTTTTTGAGACTAGTGCAAAGACAAATTTGAATGTGGAAGAAGTTTTCTTCTCCATAGCTAAGGATATCAAGCA
AAGGCTTTTCGGACAGTGAAGGCTTAAGGCCGAGCCTCAAACAATCAAGATAAACCAAGCAGATAACGCAGCAGG
GGCTTCCCAACTGCTCAGAAGTCGGCTTGTTGTGGATCTTAAGACAGCTACACTAAGGTGGTTTATTTGCAA
GGCAATACAATTAGGTTACTCGTGCTTCTTTTTCCGTCATTTTTTTTCACTAGTACTATAATAGAACTCAATTTGG
GAGTTCATAGTAAATCCTTTATCTGAAAATTAATTATACGGTTCATCTGCCCCATATTTCAATTCAACTGAAAA
AAAAGTTTCATATTTCAATATAAGTCCTTTTCGTAGTTGAGTTTACAACCTGAATATCCTTGATTAGTAATGAAAG
TTGCAAGCTGAGAATACCCATCCTCTGTTCTTTATGGACGATAACCTTTCAGTGAGTTAGAAAATGAACACA
TACTTTTATGAAGCTTGCTAATAAATATAAACATGTTAGAATAGATAAATCCAGGAATAAAGTTACAATATCTT
TCCTATTTCCCAATATTCTAGCTTTCTTATACACTTTTGCTTCCCACCCAACCTTCTATCATTAAACATTCCCAGTC
CTATATCTACAAATTTCTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2108 BT010893|Arabidopsis thaliana At3g60150 mRNA, complete cds

AAACAAGAAACTAAAGAGAAAAAGGGATTTGGGGGCGAACTCCGGGACGGAGACACGGCGCCTGAGA
AAAATGGCGGCAAGGCAGAAAGCGGTGGCGACGCTGCCTAGTCTGATTAGAACCCTTAAAAACGATCGCCG
GAAGCCTGGTTTCAGCCAGCCTCTGCCGTCGTTGAGACGCGCATTTTCACTTTACGATCAGATCAATCTCATCG
ACAATGTCCCTAAAGATCAGCTTCGTTTTCAACGGTATACTGAGACGGGGTTCAGTGGAATGGAGTGGATTA
TGAGGGCAGCTTGCTTGGCTTGGGAACTTGTTGATGTCTTGGAGTCCTAAGAAATTTTCGGAAATTACGCCT
GACAGCTTATCTATCTTCCAGATTGTGCGCCCTATTCCAGAAATTCTAGTACTTGGCTGTGGGAGATATACTGA
ACCAGTAAATCCTGAATTGAGGCAGTTCATTCGTTCCACTGGCATGAAGTTGGAAGCTGTAGACACGAGAAAT
GCAGCATCAACATATAATATCCTAAATGAGGAAGGTAGAATTGTGGCTGCAGCACTTCTGCCTTATGGAGTTT
CTTCATGACCCACCGCCCAGAGCCAGACTCAGTCATTGTTATGGATGCCTCTACAATTGCAGGATTCTTCTATCT
CTCAATCTTACAAGTATTACTCAGCCCTTTGATCTCTACTCATTTGTAGACTGACTACAAGTCACTTGGTCCTTT
TTGCTGTATAGATATACTGTTGTTGTCATAACCTGCCATCAAGAATTTTGGCAATAAGTTTTTGGCAGTTTATAT
ACATTCAAGAAAAATTAAGTTCACACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAGGATTTGGTAGGGCTAAATCACTTTCAATAGCCATC

>trans_s_2109 HM245320|Solanum lycopersicum mitogen-activated protein kinase 9 (MPK9)
mRNA, complete cds

GCTGCGCGCTGAGCTTGTAATTGCCTCAGGAGGAAGCTGAACTTCAAACCGAATCTGCTTCCCATCGCATG
GGGATCAATTTGTTTTGAAACCCATAAGAAAATCATTTTGAGTTCTCGTTGACTGCGACCCATTTGAAACC
CCATCTAGTTACCAAGAAATTTCCACTCCCACACTCTCAATTCATCTCGATTCCATCCTTTTCGGCTTCTATTCTGA
GCTGGGGTTCTGTTAATTTAAGGGTTTTCTTCTTTTCCCACCTGGGGTTTCTCTGTTCTTCTGATTCACTTTC
TTCAAGGTTTTGGAGGCTAATTTTGAGCTGGGGCAATTTTGTTTCATGTCTGGAGTTTGTGTGGTTGGGGATAT
GAGAAAGCGATGTAGCAGGGAAGTGGAGACGAGGACTTGACTGAACTTTTCTTGAAATTTGCTCGTTTAAG
AACAAGTGGTGATTGGAAATGGCGACCCCTGTTGAGCCTCAAATGGGGTTAGATCTCAAGGAAAACATTAC
TATTCAATGTGGCAGACATTGTTTGAGATTGATACTAAATATATACCTATCAAGCCTATTGGTCGAGGGGCATA
CGGTATTGTGTGTTCTTCTGTGAATAGGGAAACAAATGAGAAAGTTGCGATAAAGAGAATACATAATGCTTTT

GAGAATCGTATCGATGCTCTCCGGACTTTGCGCGAGCTGAAGCTCCTTAGGCATCTTCGCCACGAAAATGTCA
TATGTTTGAAAGATGTGATGATGCCTATCCATAGGAGAAGTTTCAAAGATGTCTATTTGGTTTATGAACTGATG
GATACTGATCTGCATCAGATTATTAAGTCTTCTCAAACCTTACGAATGACCAACGCCAATATTTCTCTTTTCAG
TTGCTCCGATGCTTGAGTATCTGCATTCTGCAAAATATCTACATCGGG

>trans_s_2110 XM_002874895|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Os01g0254000, mRNA

TTTCAGATTCATTTTCTTTTATTTGTATTATTCTAAATCTCCAGAACTGCTTAGCTGCTCTGGTTTTTGGGGAT
TTTAGGGGGCTCGATCTGGTGGGTTTACGGTTAAATTTTGCAGCTTTTCGAGGTCCTTTTCGGCTTCCATTTTG
CGGAAGTTACAAAATGTTTTGGTTCGATTGGTCTATGGAGTTCTTGCATCTCTGGGTTGTGGCAAAAGGAG
GCCAAGATCCTTTTCTTAGGGCTTGACAATACTGGCAAAACCACCTTGCTTCATATGTTGAAAGACGAGAGATT
AGTTCAACATCAGCCGACCCAGCATCCAACCTCGGAAGAGTTGAGTATTGGTAAGATCAAGTTCAAGGCCTTT
GACCTAGGAGGGCATCAGATTGCTCGACGAGTTTGGAAAGATTACTATGCTAAGGTGGATGCAGTAGTTTAT
CTGGTTGACGCATATGACAAGGAAAGATTTACAGAGTCAAAAAAAGAGTTGGACGCTCTCCTCTCTGATGAA
GCATTAGCGGACGTTCCATTTCTGATTCTGGGCAATAAGATTGATATTCCATATGCTGCATCAGAAGACGAGTT
ACGGTACAACCTGGGCCTAACAACTTCACCACTGGTAAAGGCAAGGTAAACCTGGGAGACTCCAACGTTTCG
TCCTCTGGAGGTTTTCATGTGTAGCATTGTGAGGAAAATGGGTTATGGGGATGGTTTCAAATGGCTTTCTCAG
TACATTAAATAGATTTTATTTTCTTTGTGCTGAGAAACAAATATTTGTTACCCCTTTACCTGTCATTCTGTTGGT
ATGAATCTATGAGGGTAAGATCTGTTTTTACCTTTTTTCATTTCCAAATGAACTCCCACACAAAATTTGATTTAT
AATGCTGTAGTGAAGTACTACTCTATTCTGCGAAAAA

>trans_s_2111 XM_002878282|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNA binding protein, mRNA

AGAAGTTCAATGCAGCGATTGGGGAGATCACTACAGCACCACGAGCTCATCAGACATTGATGAAATTGACGG
TACAGATGCCGATTTGAGATCAGAGGCTGACACTCGCTCAAATTTGAATCCTCGATCCGAACAGAGTCGGTA
GCGCCCGAACCAGTGAATCCTCTCCACCTGCCAAATACGCAACGCAGATGGAGAAGTTGACGACGCAGGT
TCCTCCGCAGGAAGCTTCCGAACCGGTGAGATCTCCGACCTCAGAATGGTTGTGAGGCATAAAGATTTGAAG
GAAATTGTTGATGCTCTCAAAGAAAACCTCGAGAAGGCAGCTGTTGCAGGAGATTGATTTTGAAGATGCTA
GAGATTGGTAAAGCAGAATTGGATAAAAGCTTTGACATCTAAAAAAGACGGTATACCATTGAGCAGCGTG
TTGAGCACCTTGAAGCTGACCTGGACCTCCAAGCCGCCATTGTCGGTCAAGTACCGGCTCGACACCGGTTTCG
TCGACCAACCTGGCGGTTGAAAAGCCTCTGTTGACATTGGACCGGCTTTTGGCTTGGGAGAAGAACTCTA
CCAAGAAGTGAAGGCTAGAGAAGGTGTGAAGATTGAACATGAAAAGAAATTGTCATTGTTGCAGAGTCAGG
AATACAAGGGGGAGGAAAAGCAAGCTAGATAAGACGAAAGCTGCTATAACTAGACTGCAGTCACTAATTATT
GTCACATCCCAAGCTGTCAATACAACCTTCTACTGCCATAGTTGGACTAAGAAATTCGGATCTATTCTCAGCTT
GTTGAACTTTGCCATGGGCTAATGTACATGTGGAGATCAATGCACCAATACCATGACATCCAGAATAACATTG
TGNCACAGGTTGGAAGTCTTTGTTAACAACAAGTCACGGTGACTCAACTTCTGAATTGCACCGTC

>trans_s_2112 BT000345|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g47420) mRNA, complete cds

GAGGGTCATTTGAAACAGCCTACGCCCTCTGGGTTAGCTTTCAATTTTGCAGTTTCAAGGTAAAAGGGGAAAG
TCATGGAGAAAAGTGTGATTCTTAGATCACTATTGCGTTCTGTTGCGCCAGATCTTATGGCATCGCCGGAGTC
ACTACCGGAATTTACTCCAAAGTAATCATCAGTTGCACGAAGCGTCTTCTATCTCTCGTCCCATCGTTCTTCT
TTCTCAGATTCTCCACAGAGAGTTTCTTACGATTGTAGCTATCCATCTGGTGTAGGGCACGCTAGATATTTAG
TGCTGATGTAGTTAGTATGCCCCGAATTCAGATCCCAAGCTTAATATCGTTTTCAAGGATTTGATGGCTGCAA
GTTGGGATAAGCTTCTGAGCCGTTATCTATGAAGCAAAGACCGCATTATCTGGAAGCACTGATGATAAAGC
TGGAAGAAAGTGTGGAAGAAATGTTTTCCGAGCAGCTGTAGCCGCTGAGGAGTTTGGGGATATACTTATCAA
CTTGAAAGTGAAGTGTGATGATAGCATTGGTCTTAGTGGCGAGAATGTGAAGCCTTTGTCCGATGAGCTTAAG

AAGGCATTACATACAGTTCATGATCGCTATATAGCCTACTTGGATTCAATTTGGTCCTGAGGAAAACTATCTGCG
GAAGAAAGTGGAAACAGAGTTAGGAACAAAGATGATATACTTGAAAATGAGATGCAGTGGCCTTGGATCTG
AGTGGGGAAAGTTTTCTGTGCTGGGAACCTCTGGTCTATCGGGGTCATATGTTGAGCAAAGAGCATAAATTT
GGCACCTTTGAATGTTTGGCCGTAAGTCAAGCTTCCTTTAGTTTGGTTGTATGTTCTTCAATGTTTTATTGTCT
ACTCTCAGAACCAATTAACGTGGAGTTCAATTGCAATTGAATAAGATCTTACATC

>trans_s_2113 NM_180673|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein
(AT3G16760) mRNA, complete cds

AAGCTTGAAAGCACCAGAGAGAGCTCAGATTCACGAGAGTCTCTTTGGAGCAACCCTGCTTTGCGCTGCCGTC
CTCGGATCTTCCATCCTCCTCCTCTCTGTTTAGGTACGTTTTTTGAAAAAGGGTAGATCCCTTTTTAATTTT
TTTGTTTGATTCTTTACCTGGGGATTTCATTCAATTCAACAAGCCATGAATTCTAATTTGCGGAAGAATTTTGA
GTTTGATCTGGGGCTCGGATCTTCTCGTCCAAATCACTCAACGATCAGAAAAACAAAACCAATCCTATTCAT
CCTACACTTCCTCTGCTTCCTCTACTCTTCCACCCCCACCAGGCCGGCCTGGCAGCCTAACAAGCCCTCATGGA
CGCATCAGCCCGCGATGAATCAGGCTGCTCGTCTAACTTGCTAATCCCCGCTTCCATGGTTGGTGATATA
TTTGGGAAGACCTGGGGTTCCACGGCGACTTCCGGTTCACGGCGGGTATTGGAATTGTTGAAAAGAATCCG
AATCTGTTGCGCGATTGGTTCGGTCTGCCTGGGATCGGGTAAGAGCAATTCGAATACTCCATTGAAGAATG
TGGGTCGGGCTTCGGTGTATCCGGTGCCGATTGAATAGAAATTCGTTTTCGATGGGAAATATGAACGATTC
CTTGCTAAATCCAGTAGTAATCCGAGTAAAAATAGTGGAATTTGGAGTTTTGATAATCTTAGCAATTACAATA
ACGGGAAAAGTAATCAGAGTAATACCACCAATATCAAGACTCCCAATCTCGGAGGTCCAAGCATGAGTTCAAC
CATCGGCGGTGGTAAGACGAGCTCTACCAAAGATCCCTTTGGTCTTTAGTTGACTTTGGATCTAAATCATCTG
GGAATCTGAATTCAACCACTAAGAATCAAAATATCAAATCAAGCGAGGA

>trans_s_2114 L36823|Stylosanthes humilis cinnamyl alcohol dehydrogenase (CAD1) mRNA,
complete cds

AAAGGATTTTCCGTAAGATCCCAATTCCGCCACCATTTTCGACCTCATCCTCCCAAAATTATCCGATCCGCCTCC
GCCTCCGCCTCCACCTCCACCTACACCGCCGTTGCTTCTCGGCCTAACTTTTTATCATGTTACGGATCAGATGA
TTTCTGGTTTATCCATTGACTCGACGATTTAGGTCTTAATGTTTTAAATCTTTGTGTTTTGATTGATTCCAACA
TTTTCAATTTCTTTCAAAGTTTTCTTCAAGCTCTTGGCTCGCAAATCTGAGGTTTTGTAGACCCTACGAAAATT
AGGGTTACGAAGAGCATTTCAATATGCCTTCGGAACTATTGATCTCTACCTTCGCCCTTGCTTCCTTCTTTGA
CTTCTTTTCATGGTGGTTCCTCTTCGCATCGTCTGAAGCGGCTCGAAAAGGGTGATCGGCGTGGTAATCTTAGT
TAACATAGGGTTCTTTAGTGCAATTCGTGCTCTATTGCTATTCTTCAATCTTCTCTTCTCCTCCTGCTCTTTT
GGTCCTATTCGAGGTTTGGAATTCCTAGAGAAATTATAATTTTACGGTAAGGGTTTATTGTTTTGATCTTGAGG
TTTAGCGGCAATCGAAGTCCCTGAAAGCGAGTCACTGGCAATTGGCTACTCGTTGAGAGGGTTTTTGCATTCT
TGATTATTGTGCGAGGTTCTAGCAGATTTCTGTGTCTTACATAAATCTGAATGGACATTCCTTCGATTCATCAG
AAGTTGGCTGTCGGTGTAGACGGTCTGGTGGATGATCTGCAGTCGTCTTTGAAAGAATTGATGCTGCATTGTT
TAATGATCTTGATGGGTTTTTTAAGAAGTCTTTGAGCATTGAAGATACTCAAAGTCAGAAATTTAAACGTGGAT
GTGATTGCAGCGATAATTCAAATGATAGAAACAAACAA

>trans_s_2115 XM_002881641|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisomal membrane protein,
mRNA

ATGCAGACACATAAAAAAAGTCTCAAAGCCGTCTCTACCTGGTCGAGCACTGACTCCACTAGATGAAACAATT
CCGCCGACAGCAGTTGTTGATCCTCCTTCTACGGAACCACTCATGCTATTCAAGAACTTTATGATGAAGCGGG
AATCAAGGGTTTCTGGAAAGGGGTAATCCCAACAATGATCATGGTCAGCAACCCTTCTATACAATACATGCTG
TATGAAACTTTGTTGAACAAGTTGAAAAACGACGTGCTTTACGGAAGGATGGGAGTGGAGTTACTGCATTG

GAGATATTTTTCTTGGTGCGGTTGCAAACTTGGAGCAACGGTAGTAACCTATCCTCTTTAGTTGTGAAGGC
TAGGCTTCAAGCAAAACAAGCCGTAGCAGGAGACAAAAGACATCAGTATAAAGGCACATTGGACGCCATTCT
CAAAATGATCCGATACGAAGGACTGTATGGATTTTACAAAGGGATGGGCACGAAAATCGTCCAGAGTGTTCT
GGCTGCTGCTGTCTTGTTCATGGTTAAGGAAGAACTCGTCCGAAGTGCTCGATTCTCTACCAAGGGTCCC
GTTGGCAGAATAAAATCAAAGCCTCAATGATCTGATAAAATGCTTATATGACCCCATACAGTTTCTTAAGAA
GTTATCCTAGCCAGAAATTTATGTTATTCATCCTAGTGCAGTATTCTTGACCAAACCTTATTTGAAATTATTAG
GAAAATTTGTGTCCAACAAAAGAAATAAGATTAAGATTTGGGCTGGAAATTGTTGTTTGAAATATAACAATAT
GCTATAGCAGAAATATTGGATTCATAGTTATAAATTGGAGTGGCCTATTTTTAGGTCAATTATACCATTTAGA
GATTATTATATAGTCACAACCATATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2116 XM_002870051|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L19 family
protein, mRNA

AGTAAGAAGAAGAAATACAGACAAGTTCACTGCCATGATTCTCTCTTTATCTCTAATTCTCTTTCATTTTAGA
AGCTCCAATTCCTTCATCAATGGCCTCCAAGATTCTTCTCAGGCCGTAATTTCTATTCCAAGAAACCCCAATCA
ATGTCCACCAAGAAGATTAGGGTTTTGTTCCGCAGTTTCTGGTACTCGTGTTTCGTTTTCTACTCTTCTCTAG
TTCAATCGGCTCCCATTTTCGTCACTGTTTCGGCGCCGTTGAAACGGGCGTTTGTTGTGAGAGCTGAGGCG
AATCCCGAAGCGGAGTCGGCAGCTGAAGAAGCTCCTGAAGCTGAAGTAGAAGCAGCAGTGAGGTCTGATGC
TCAGCCTGAGGAGGAGAAGCCGTCGAGAAAGCCTCGTGTTAAGCTCGGAGATGTAATGGGGATACTTAATAA
GCGGGCAATTGAAGCGTCGGAGAAGGAGAGGCCGATTCCAGACATTAGAACTGGTGACATTGTAGAACTTA
AACTGGAAGTTCAAGAAAATAGGCGTAGGCTTTCTGTTTATAGAGGAATTGTCATATCAAACAAAATGCTGG
CATCCACACTACGATTAGAATTCGCCGAATTATTGCTGGTGTGGTGTGGAAATTGTTTTCCGCTATACTCAC
CAAACATCAGAGAGATAAAAGTGGTGAGCCACAGGAAGGTGAGGAGGGCAAGGTTGTATTATTTGAGAGAC
AAACTTCCAAAATCTCTACTTTCAAGTGAACCCCCCAATTCCTTTTTTCATCGACCGTCAACGGGTGTAT
CTTGCTATGATTGAAAATTTCTGTTTCTTTTTATAGACGCGGGCATTATTCTTCTGTATTATATTATCCTCCC
ACATTAACATTTGCTAGTCTAATTATATATCTGAGCAACAGGGTTTTGATGAAA

>trans_s_2117 NM_119307|Arabidopsis thaliana SRZ-22; protein binding (SRZ-22) mRNA, complete
cds

AAAATATCTTAACCTTGAAGAGAGAATCACGTTGAGCTGCTAGGGTTTTCTCCGTTTTCTTGTAAGCAATGTC
TCGTGTATATGTTGGGAATTTGGATCCGAGGGTCTCTGAGCGCGAGCTGAAGATGAATTTCTGTATTTGGA
GTTATTCAAAGTGTATGGGTTGCACGAAGACCGCCAGGCTATGCCTTCACAGATTTTGACGACCCAGAGATG
CACGGGATGCGATTATGAATTAGATGGGAAGAATGGCTGGAGAGTTGAACTTCCACAATTCTAGAGGTG
GTGGAGGTGGCCGTGGAGGAGGGGGTCTGGTTCGTTCCGGTGGTCTGATTTGAAATGCTATGAGTGTGGT
GAGCCTGGGCATTTTGCTCGTGAGTGCCGTTACGTGGCGGCGCGGTGGCGGTGGTGTGGAAGAAGACG
TAGCCGCAGTCCTCGATACCGCCGAGTCCAAGTTATGGTCGCAGGAGTTACAGTCCCCGTGGAAGATCTCCA
AGACGTCGCAGCTTGTACCTCGTGGGCGTAGCTTTAGTAGATCACCTCCATACCGTGGTAGAGAGGAGCTAC
CTTATGCCAACGGAAATGGCATAAAGGACCGGCGCCGAGCAGGAGCTGAAGACGACCAACTTCTCAACTTG
CCTTAGTTAACACATGATGTTTAGAGGATTACTCCGAGTCTATATGTTTTAGTGCTTGGACTTCGTATGGGAC
CTTTTAAAATCGGGCGACGCCCTCAGCCTTACTTTTGAGTTTGGATAAGTCCTTCTATCTTCTGTTTGAATT
GTTTTCTTTTAGTTGATCAGTATAGTTGTAGGATACTAAATATCATTAGTTCATATTTATTTGATAATGTTAT
TAAGCAAATGTCTTGAGGGGCACTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2118 AB243987|Nicotiana benthamiana MAPKK mRNA for mitogen-activated protein
kinase kinase, complete cds

CTCGGCCACGGCAACGGCGGCACCGTCTACAAAGTCCGTCACAAACGCACCTCCACTACTTACGCTCTCAAGG
TCGTCCACGGCGACTGCGATCCCACCGTTCGTCGCCAAGTTTTAGAGAGATGGAGATTCTTCGTCGGACCGA
TTCTCCTTATGTCGTTCAAGTGTATGGAATCTTCGAGAAACCTTCTGGAGATGTAACGATTTTGATGGAGTATA
TGGATCTTGGATCTCTTGATTGCTTATTGAAGAAGAACTCGACTTTGTCAGAAACGACGCTCGCTCATGTATCG
CGTCAGGTTCTTAATGGTCTTCATTATCTTCACTCTCATAAAATCATTATCGTGATATTAAACCGTCCAATCTGT
TGGTGAATAAGAATATGGAGGTTAAGATTGCCGATTTTGGAGTTAGTAAAATTATGTGCAGGACTTTGGATGC
TTGCAATTCTTACGTCGGAACCTTGTGCTTATATGAGTCCAGAGCGGTTTCGATCCAGAGACTTACGGCGGAAAT
TACAATGGTTATGCCGGAGATATTTGGAGTTTGGGGCTTACTCTTCTAGAACTTTATTTAGGTCATTTTCCATTT
CTTCCGGCTGGACAGAGACCGGATTGGGCAACTCTGATGTGTGCGATTTGCTTCGGTGAACCACCGAAGCTAC
CGGAGGATGCGTCGGAGGAGTTTCGGAGCTTTGTTGAGTGTGTTTGCAGAAGGAATCGAGTAAAAGATGG
ACGGCGGGCGCAATTGTTGACGCATCCGTTTGTATGCAGGGAATCATCGAGATCATCGTCGGATAATCGATGAA
TCCACGCGGTGAAATTGTAAGGATCCGAATGAATGTCAGTTTAAAAAGATCAAGCCAAATTGTGAGATCTGTA
CATAAACTTGCGGAATTCGGATGAACTTTTTCTTTTTGTATATATTCCTCTC

>trans_s_2119 DQ973810|Glycine max PHD5 mRNA, complete cds

CTCTTTCTCGAACTCATCGCATTGAAAAACCAACAAACCTAAAAGTGTCCGTTCAATTTCTTCTTGTCTCAA
CTACTCCTCACATAGCTCAATTCCATCTCTTCTCTCCACAAATTTGCACTTTCATTATTCAAATTCATACTGAA
ATCCCTAATTCTCTCACTGCGCGGCTCTTTTTACCGATATTATGGAGGGAATGCCGCACCCAATACCCCGTACA
GTCGAGGAGGTCTACGGCGACTTCAAAGGCAGGCGTGCCGGCTTGATCAAAGCCCTTACCACTGATGTGCGAG
AAGTTTTACCAGCAGTGCATCCTGAGAAGGAGAACTTGTGTCTCTATGGACTTCCAAATGAAACGTGGGAA
GTTAACTTGCCTGTGGAGGAGGTGCCTCCTGAGCTCCCGGAACCAGCATTAGGGATAAACTTTGCAAGGGAT
GGGATGCAGGAGAAAGACTGGTTATCACTGGTTGCAGTTCACAGTGACTCATGGTTGCTTGCTGTTGCATTCT
ATTTTGGTGCTCGTTTTGGATTTGGGAAGACTGAAAGGAAGAGGCTATTCCAGATGATCAACGATCTCCCAAG
TGTATTTGAAGTTGTGACTGGAAATGGTAAGCAGTCGAAAGAACAATCTGCCACTCATAACAATGGCAGTAA
AGCAAGTCGAGTGGAAGATGTCCCGGCAGTTGGAGTCCCATAGCAAGGGAGTGAAGATGTCTCCACCACCA
AAAGAGGATGAAGATAGCGGGGACGAGGAGGAGGAAGAAGAAGATGATGAACAGGGTGCAACATGTGGG
GCTTGTGGGGACAACCTACGGCAACGACGAATTCTGGATTTGTTGTGATGTGTGTGAAAAATGGTCCCATGGA
AATGTGTGAAAGATACACCTGCAAAGGCGGAGCATATCAAGCAATACAAGTGTCCAAGTTGC

>trans_s_2120 AY107278|Zea mays PCO146711 mRNA sequence

AAAAGACTAGAAGCTTCTGTCTCTTCTTCCATTCTCGCAGAGTCGCTGATAGGGTTTTTTTTGTTGGGTCTG
CCATTGTTGCTTCTTCTTTGAGCTCTTACACAGCTATGCCTCGGTATTATTGTGACTATTGCGATACGTATCTGA
CCCATGATTCTCCATCTGTGAGGAAGCAGCATAATGCAGGCTACAAACATAAGGCAAACGTGCGATCATACTA
TCAGCAGTTTCGAGGAGCAACAAACCCAAAGTTTAATTGACCAGAGGATCAAAGAGCATCTTGGTCAAGCCGC
AGCATTCCAGCAGGTTGGTGCAGCTTTTAATCAACATTTACTCGGCCAAAGACCTCGTCTTCTGTACTACCTA
CTCCTGTAATACCAGGAGCTGCTCCGGGGTTAATGCCTGGAATTAGGCCTCCAGTTTTGCCAAGACCAATTCCT
GGTGCTCCAGGGTATCTACCAACTCCCACAATGCCACCTATGATGGCCCCGCTGGAGCTCCCATCCCTGGCCA
AGTGAATATTCTTCCAGGCCGCCTCCTCCAGCGCCAATTCCAGGGAGTGACCTCAACCTTCTTCAACCAATG
GCGCACCATTGGCTGCACCATCGACATACCAAGCAAACCCAGCCGACCAAGGAGTGGAGGGTATGATAGTT
TCACCTCCATGGCTCAACCTTCTCTGAGTCTAACCATAGAGCTTCTACTTGTGCTGTTTATGTATGATATCCA
AAGCTCTTTTAATGCAAATTGGGACCAACATTTTTTAAAAATCTGAAGCAAATTTGGAGCCTTTGAAATTA
TGTAAGAAAAGTTCTTCTAAGTGAGCAAAGGAAATAATTTTTGTGGTTGATTCTTGCTACTTGGTTGGAGGT
AGAATACGTAGTGCTTATATGGCCAAATGGGTGATTCTGAATCCGTTAA

>trans_s_2121 XM_002328874|Populus trichocarpa serine hydroxymethyltransferase 6 (SHMT6), mRNA

CTTCTATAGGAAGGGTCCAAAGCCACCTAAGAAGGGTCAGCCCGAAGATGCTGTTTATGACTATGAAGACAA
GATCAACTTCTCTGTCTTCCCGGCCCTTCAGGGTGGCCCTCACAAATCACCAAATTGGTGCTTAGCTGTTGCCTT
GAAGCAGGCTATGTCCCCTGGGTTCAAGGCCTATGCTAAACAAGTTAAGGCCAATGCCGTGGCCCTCGGAAA
TTACCTGATGAACAAGGGTTACAAGCTTGTTACTGGAGGAACCGAGAACCACCTTGTTCTCTGGGATCTTCGT
CCTTTGGGATTGACTGGCAACAAGGTTGAGAAGCTCTGCGACTTGTGCAACATCACCGTAAACAAAAACGCA
GTGTTTGGTGACAGCAGTGCATTGGCTCCCGGAGGTGTCAGAATCGGTGCACCTGCCATGACTTCAAGAGGT
TTGGTAGAGAAAGACTTCGAACAGATCGCAGAGTTCCTGCACCGTGCTGTAACCATCACCTTGAACATCCAGA
AGGAATATGGAAAGCTGTTGAAGGACTTCAACAAGGGTCTTGTAACAACAAGGAAATCGAAGAGCTCAAG
GCTGATGTCGAGAAAATTTCCGGCTCTTCGACATGCCAGGCTTCCTCATGTGCGAGATGAAGTACAAGGACT
AGAAAAAGGCTAGACAACACAAGATCATCCGGAAGCTAATAAAGTTTTGGGTGTTTGTGAATCTTTTATGA
TCTTTCACCTCTAAAGTTAAGAAAACGTAAAAAGAAAGGTTGTTGTTTGTGCTTCCCTTCTTTTTCTTTTT
TTTATCTTTTTTCTCGTTCATTTTTTTTCTTTTGCTATCTGTAAGATGTAGGCTAGATTTTCATTCTCATAATATT
CATTCTAAAGTTTCATGCTCGCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2122 NM_001067143|Oryza sativa Japonica Group Os07g0673500 (Os07g0673500)
mRNA, complete cds

TATGATGACATGAAATATGCTATTAGAAACTTGATGATTCTGAATTCGGAATGCCTTTTCTCGAGCATATGT
ACGGGTGAAGGAATATGACTCTAGACACAGCTACTCCAGGAGTCCATCTCTTGATTCTAGACAAAGTGATTAT
TCTAGAAGTCCCAGTCGTAGTCCATATAGGGGAAGAGGCCGAAGCCAGAGCCGAAGCAGAAAGTCGAAGCCG
TAGCCGTAGTTATAGCGACAGGAGCACTAGTCTATCTCCAAGGCACAAGCACTCTCGTCGGTCACGTTCAATTT
CTGAACAATCCCTTTCAAGATATGGGCTTTTGCAGGAATAGTTGGGACTTCATGTTAGGGACTTGAGGGATGTG
GTGCTCAATGAGCTTCTTTCAACTCTTTGGTTGTTGAGGTCTAGGTCAAGGTGCGAGATCAAGATCACGGTCAC
GATCACCAGTTTCATGCCGTCATCGTGCAAGCAGACCTCGGAGTCGGAGCAGATCTCGGTCCAAGTCCAGATC
CCTTTCACCGAATGTGAGATCTGATCGAAGCCGAAGCCGAAGCCAATCTGTTGATTCCAGGGACCAATATTCA
GAATAGGACATTTGTTGTGAGGCTGCTCTCAGACGGAACAGTAAAGCATAGGAGAGAAGTAGGGAATGAT
ATATTTGGAGGGTTGACTTTTAGTGTATAATGTGTTATGAATGACCTGTATTAACCAAGCCATGTTGCTGCAT
TGTATGTCGACACATGCTTCGGTTATTTCACTTTAACGTTCTCTGTTTTCCACCTTCGAGTATATTTGGTAACTA
TTACAATTCTCTGATGACTAGTTTTTGTTCATGATTTTTCTTTAAGCAGTTATCAAAAGTCATTACATTATC
AAATATAAATTAGTCTCATTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2123 X67045|S.tuberosum mRNA TPT for triose phosphate translocator

ATTCACTCACACGATCAAAGCTCTGGAACCATTCTTTAACGCTGCCGCTTCTCAATTTATTTGGGGGCAATCCA
TTCCATTACCTGTGGCTTTCATTGGCTCCTGTTGTCAATTGGTGTGTCAATGGCATCCTTGACTGAGCTTTCAT
TTAACTGGACTGGTTTCATTAGTGCTATGATTTCCAATATTTCTTTACCTACAGAAGCATTTATTCAAAGAAAG
CCATGACTGACATGGACAGCACGAACGTCTATGCCTATATTTCCATTATTGCTCTCCTTTTCTGCATTCCACCTG
CTGTGATCGTGGAAGGACCTCAACTGCTAAAGTTTGGTTTCAATGATGCCATAGCCAAAGTTGGTCTAACCAA
ATTCGTCTCAGATCTCTTCTGGGTAGGAATGTTTTATCACCTTTACAATCAGTTAGCAACCAACACCTTGGAGA
GGGTAGCACCCTTACTCATGCAGTTGGAAATGTGCTGAAACGTGTATTTGTGATTGGATTCTCCATCATTGTC
TTTGGAACAAAATCTCTACACAGACTGGTATTGGAACCTGCATTGCAATTGCAGGAGTAGCTCTTACTCTTA
CATCAAGGCTAAGATGGAAGAAGAGAAACGACGAACAAAGGTGGCTTGAAGAAGCATTGGATGGAGGAGA
TGGGAAGCTTGGAAATGAGGGGAGGATTTGGTGTGTAATTTTAAAAATAAATTCCATCAACGTGAAAAC
GAAAAAAAAAGAAGTTATTTTGAAGTATTCGATCAATTTTATTGATTCTGAGCTCAGACATTTGTTGATTTTGT

AATTATCCAACGTTGTCTCATTTTAAAGCCTTTTAAATTTTAAACTATGTCGCTTCTCGGCACATTGCAAGAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2124 NM_100924|Arabidopsis thaliana ATPISCA (chloroplast-localized IscA-like protein);
structural molecule (ATPISCA) mRNA, complete cds

AACATTTTCGACTAGTCAAAGACGGCGGTACGCATATTTACTGGTCGCCGTTACAGTTGCGCGGAAATATCG
CGGCAGCACAAACGGGTTTCTCCGATGGCGTTCTCTTCGATTACCATGAAATTCCTCCCCGTCCTTCACTTGCG
AGCCCTTCCTAAAAGTTCTGCACCTCAAAGTTCAATTTCTTTCTGTTTTCTCTACGAAATTCAGCCGGAGTAA
ATCCTTATCGATTGATCGGTTTCACTCCAGCTGCGCCAGCATCCGAGAGTATAGCACCTGCTATCTCATTAA
CCGATAATGCATTGAAACACTTGAATAAAATGAGATCTGAACGTGATGAAGATTTGTGCTTAAGAATTGGTGT
CAGACAGGGTGGATGCTCTGGTATGTCCTACACCATGGAGTTTGAGAACAGGGCAAATGCTAGACCTGACGA
CTCGATTATAGAATATAATGGTTTTGTGATAGTATGTGATCCCAAGAGCCTACTTTTCTGTTTGGATGCAATT
GGACTACAGCGACGCACTTATTGGTGGGGGATTTCTTTCAAGAACCCAAATGCTACACAACTTGTGGTTGT
GGAAAATCATTTAATGCAGAAATGTAGGATCATATTTGTTTATATGAATGATTCAACAGAACTTGATAGTTT
CAGGTTAAAGAAAACATAGAATGTATAAAACTCTTAGTTTGCTTGACAATTGATCCTAATAGTATACCTTCTA
TTACTAGTTCTCTGTTGGGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2125 AY106787|Zea mays PCO079877 mRNA sequence

AGCTTAATTTGGACGAACCCTAGTTTCCGTTTCAAATTTGGGAAATTTCACTCTTTTCTTTTGGATTCTCCTCAT
TTCCCGCTGTGAAATACTTCACATCTTCACAACTCCCGCCAGTCGTGTCAATTTTAATTGGGCACCCAGTTCT
CGGCATCACTTAGCGTGAAGAAATTATAGTGACGATTTGATTTGTTTTGCAAACAAGAGATGATGAAAGGAA
GAAATCTGGGAATTTGTCGAACCCATGTTTGACAATGCATCAGCCATGGGCTTCTTTGCTTGTCTACGGAATC
AAACGCATCGAGGGCAGGTCTTGGCCTGCACCGCTTAGAGGCCGTCTTTGGATTCATGCTGCAAGTAAGGTTCT
CTGAGGATTCTACAATCAAAGCAATGGAGGACTTCTATAGGGAACCTTTATGCTTTGGATGGAATTACTGATCTT
AAGTTTCCAGAACATTATCCCGTTTCAAGGCTTTAGGGTGTGTTGAAGTGGTTGGGTGTGTGCGTGGTGAAG
AACTGAAAAATTGGGATGAAGTACCTGAAGGGGTTAGAGTAGAAGCTCAAACCTGATTTCTGCTGGCTCTGTG
AACAACCACAGAAATTGCTGATTCCATTCGAGATGCGCGGTTTCCAGGGTGTATAACTTAGAAAAGAGGAT
ATTTGAAGCAGCAGTTAGAGGTCTACCCGTGTTAAATGCCCACTGCCTGTAAAGTTCCAACCTCCAGATCCTA
GAGATCCATTCTCCTTGAAGCCAGGATCTGTATCTTCATGTTCTCCCGAGACTNCAGGATCTGGATCTGAAGTG
GAGAAGTCATCTAAACTCATGCTGCGATAGCTGGTGCTGAGCAGCCGCTACTCAGTTTACAAGAAAGTACC
AGGACCCCAAACTTCATCTAATTTTTGGATGGGAAAGTAATCCAGAACT

>trans_s_2126 HM590935|Cucumis sativus cultivar Silver Green zeaxanthin epoxidase (ZEP) mRNA,
complete cds

GTTGCTGTAATTCATGGAATGGCAAGAATGGCTGCATTAATGGCTTCCACTTATAAAGCTTATTTGGGAGTTG
GACTCGGCCCCACTTTCAATTTTGACACAGTTTCAAGTAACCATCCAGGGACATTTGGTGGAAAGTTTTTATT
GATCTGGCAATGCCCTTGATGCTCAATTGGGTCTTGGCGGTAACAGTTCAAATTAGAAGGGAGGCCACCA
GCTTGTAAGTCTCTCGACAAAGCAAATGATCAGTTGCGAAAATGGTTTGAAGACGATGATGCCCTAGAGCGA
GCTATTAATGGAGATTGGTTTTTATTACCACAAGGAGGCAAAGCTAGCGTTTCACAGCCTATTTGCCCTACGCGA
AGACGAGAACCAACCCTGTTTGATTGGAAGTGTGGAGCAAGAAGTAGATTACGGGTATCGGTCGCTATACC
GTTGCCCTCAGGTTTCAGAAAAGCATGCCCGTATTAATTACAAAGATGGGGCCTTCTTCTGACTGATCTGAGAA
GTGAACATGGCACTTGGCTATCCGATCACGAAGGACGACGGTACCGTGTACCCCGAATTTTCCCGTACGCTT

CCATCAGTCTGACTTAATTGAGTTTGGTTCTGATAAGAAGGCAATATTTCTGTGAAGGTAATAAGATCTTCAG
TTGAAAATGATAGAGAAAAAGTAGAGATGAACTCATGAAACAACAAAGAAGATCTTTCCATTACCGAGTTATT
CTTAGTTCTAGAGATATGTACAGATCATTGAAGGCAGTGGAGAATTCTAAATCTGCTGATTTTGAATGCAACA
GATTGATTTGTATTGTCACTCAGTTTTTGTAGTGTAAGATGCATGGAAGTCCACACTCTGTAGTGATTCTTAA
AATACCAAAGTTTTAGTATACACCAAAAGTTTTAGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2127 NM_123136|Arabidopsis thaliana TCH2 (TOUCH 2); calcium ion binding (TCH2)
mRNA, complete cds

AAAGAAAAAGAAAAGGATATCTCTCTATTCAAATTTCAAATCCCCTTCACATAATCACAATCAATCCCATGG
CCAATAACAACCCCTCCCTTTCTATTTCAACTCCTGGATCTTCCTCCTTAGGCTCCATGGACGAAGTCATCAGAG
TCTTCAACAAATTGACAAGAACGGCGACGGCAAGATTTCCGTCTCAGAACTCGGCGCTGCTCTCGGTGAACT
CAGCGGCAACATCTCCACCGGCGAGATCCACCGCATTATGTCCGAGATCGACAAGGACGGTGACGGTTTCATC
GACCTCGACGAGTTCACCGACTTCACCTCCTTCCACTGGTGGTAACAAAGATCTGCAGGACGCTTTCGATCT
CTACGATATTGATAAGAACGGCTTAATCTCTGCCAAGGAGTTGCACTCTGTTCTCAAACGCCTTGGTGAAAAAT
GTAGCCTCAAAGATTGTTGCCGGATGATCAGTTCTGTTGATGTTGACGGTGATGGACATGTAAATTTGAGGA
ATTCAAGAAGATGATGACGAGATCTTAGTCTTCTCGCCAGTAGAGAGGTAGTTTCACAAATTTAATCAAATTT
AGGCTTAGAATTTCAAACCAAAATCGAGTGTTATCAGTTGATTCTTAGTGTGTACAGTCTATGAATCTATCGT
TTCTTTCACGGTTTGTAACCGATTTAGGGCACTAAAGCGTCTCTACAATGAATTTCTCCTTTGATTGTAGATCTT
AATCGGAGATCCGGAAGAAAAAAAAAAAAAGAAAACAAAGAGATTATAAGTTCATATCATCTCTCTATTTGA
TTCTGATTTTTCTTTCTGAAACGGATGGAAGAATCCGAAAGTGAGGGAGTAAATATTGTGGGCTGAATTTG
TGGAACATTTGATTGGGTGATATAGTTATTGAAGCAATATTTGCATCGG

>trans_s_2128 NM_180850|Arabidopsis thaliana UBC10 (ubiquitin-conjugating enzyme 10);
ubiquitin-protein ligase (UBC10) mRNA, complete cds

AATTTTACATTTATTTATTTATTTATTTAAAACTTTTCGCAATTCTTCTCTCTTCCCTCACGAGCCCTCATTACTG
TGAGGGATTTTCTCCATCCTTGCTCATCAGGTTTTTTTTCTCATGGCGTCCAAGCGGATCTTGAAGGAACTCA
AGGATCTGCAGAGGGATCCTCCTACGTCTTGCAGTGCTGGTCTGTAGCTGAAGACATGTTTCACTGGCAAGC
AACCATAATGGGACCACCAGACAGTCCCTATGCTGGTGGTGTCTTCCTGTCAACATTCATTCCTCCAGACT
ACCCATTTAAGCCTCCCAAGGTAGCGTTGAGAACAAGGTATTCCACCCAAATATAAACAGCAATGGAAGCAT
TTGCCTGGACATATTGAAAGAGCAATGGAGCCCTGCCCTAACCATTTCTAAGGTGTTGCTTCAATCTGTTCTT
TGTTAACGGATCCTAATCCTGACGATCCATTGGTGCCGGAGATTGCTCACATGTACAAGACAGACAGGAACAA
GTATGAACTACCGCAAGGAGCTGGACCCAGAAGTACGCCATGGGGTAAATGGTATCCCAAATCTTTAGCTT
GTAAGTTGAGAGTCTATTGTGATTTTAAATATATGTCTCTGGCAATTTGTATGCAATTTAATTCTGTTTCAAT
CCCCGCTGAAAAAGAAATGCACCAAATAGTCGGTGGTGCAACAATAGCTTTGTGAAAGAAGGTAAAGCATG
TTTTTCCCTGTTTGTCTCCATGGATAATGCGAGCTCTGTCTAGGGTTTTTGTATGGAATGTAATCGTGCTGAA
TTCCTTGGACATCTCTTACTTGAGTTCCTCTGCAGCAATGATAATTGGCTATGTTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2129 NM_127334|Arabidopsis thaliana ARAC1; GTP binding (ARAC1) mRNA, complete cds

AAGTTTGTGGCGCAGATTGGTTTGCTCAACGAACGCTTCATCGGCATTATTTCCCGGCTTCAAAGGTTACAG
ATCTGAGGCCCCCACCCTCCACCCCAACCCCGCCCTTTCTCACAATGAGCGCTTCAAGGTTCAAGTGCG
TCACCGTTGGAGATGGAGCTGTTGGCAAACTTGTCTCCTTATCTCCTATACCAGCAACACCTTCCCCACTGATT
ATGTGCCTACTGTTTTGACAATTTCAAGTGCAATGTAGTTGTGAATGGGAGCACTGTAACTAGGGTTGTG
GGATACAGCCGGACAGGAGGATTATAACCGGCTAAGGCCTTTGAGTTATCGTGGGGCAGATGTTTTATATTG

GCATTCTCTCTCATTAGCAAGGCCAGCTATGAAAATGTTTCTAAAAAGTGGATTCCAGAGTTGAAGCATTATGC
TCCTGGAGTGCCTATTGTTCTGGTTGAACTAAGCTTGATCTTCGAGATGATAAGCAGTTCTTTATTGATCATC
CTGGCGCAGTTCCTATTTCAACAGCTCAGGGAGAGGAGCTTAGAAAGCTGATTGGAGCTCCAGCATACATCG
AGTGCAGCTCAAAAAGCTCAGCAGAATGTGAAGGGAGTTTTTGATGCAGCAATTAGGGTGTACTTCAACCTCC
AAAGCAGAAGAAAAAGAAGAGCAAAGCTCAGAAAGCATGCTCGATATTATGAGCGAAATTCTAGTTGTGAAA
ACATGACACCATCCTTTGTCTGCCTGTATTCTCTCATCTTTCTTTTCTCTCTTTTTTTCTTTTTCTATCTTTCCTT
TTGATTCTGTAGTAGCCTAAAAGTCTGATTATTTTTCTGTCCCGCAATACTCGCAATCTCTGTGAAGCATCAAC
GGGTAGTTTGTTACTGCTTCTGGAACGACGTGGTATCGAATT

>trans_s_2130 XM_002882910|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phospholipase/carboxylesterase
family protein, mRNA

ACATCCCAGCATATTACACTTCTGGCTCATTGCATATACTCGCAACTCACAAGTGCCTCTTAAGTGCAGTTCTTA
CAACTTTCAACATGAGCTACTCACATTCTAATATCAGCTCTGGTAGTAGATCATCAGCAAGAAGGTCATTAGAG
TTTGGAAGGACACATGCTGTGAGGCCCAAAGGAAAACACCAAGCCACTATTGTATGGTTGCATGGTCTTGGT
GATAATGGCTCTAGCTCTTCTCAGCTCCTGGAAACCCTTCTCTTCCAAACATCAAATGGATTTGTCCAAGTCT
CCAAGTCCAGCATATCTCTACTCGGAGGCTTCTTGCATGCTGGTTTGTATGTGGGAGAGTTTTCAAGAAG
AAGGTCCACATGATTGGGAAGGTCTTGATGCCTCAGCTGCCATATTGTAACTTACTGTCTGCAGAGCCATCT
GATGTAAAAGTTGGGATTGGAGGCTTCAGTATGGGAGCTGCAATGGCACTTTACTCTGCGACCTGCTGTGCTC
TTGGAAAATATGGAAATGGAGTCCCATACCCATCTACCTAAGGGCAGTTGTTGGACTTAGTGGCTGGCTTCC
TGGGTCAAGGAGCTTAAGGAACAAATTTGAAGCATCGCACGAGGCTACGAGGCGAGCGGCATCGATTCTAT
TCTACAGTTTCATGGAACAGCTGATGAAGTAGTACCAGTAAAGTATGGAGAGAAATCAGCCCAGACCTTGACC
TCAGCTGGGTTTAGAACTCTAGTTTTCAAAAGCCAAGAAGGGCTAGGCCATTACACAATCCCAAAAGAGATGA
ATGAAGTCTGCAGTTGGCTAAACTCAAGGTTGGGGCTTGAGGGCTATCGTTAAGAAATTCTGAATACTCCATT
TTTCAATGGTGTAAAGCTGAGAAGAAAGAGGACAATAAAGTTTTTTTTTTTTT

>trans_s_2131 AJ489614|Cicer arietinum mRNA for microtubule associated protein (map gene)

ATTGAATACCGAACCAACGCCACCATGAAGGCTTCACTCTCTTTTTATCTGTAATTCAATCAAAGCTCGATTCTC
GCAAATTTTCTCGCCAAAAGCCATTTCTTTTTTGTGTTGGGACAATTGGGTCCGTTTTTTTTTTTTCTTTTACT
CTCAGCTGGATTCCACCTCGATTGATTTCTCTCAACTCTCTTAGTTTCAAGACTGATGGCTAAGAGTTACTT
CAAGCAAGAGCATGATCTTGAGAAAAGAAAAGCAGAGGCTGCAAGGATTAGGGAGAAATATCCCGATAGAA
TTCCTGTTATTGTGGAGAAGGCAGAGAGAAGTGACATCCCTAGCATTGATAAGAAGAAATACCTAGTTCCTGC
AGACCTTACCGTGGGACAGTTTGTTTATGTCATCCGTAAGGATTAAATTGAGCCCGGAGAAAGCGATCTTT
ATCTTTGTGGACAATGTCCTCCCTCTACAGGAGCAATCATGTCTGCAATATATGAAGAGAAGAAGGATGAAG
ATGGATTTCTCTATGTTACTTACAGTGGAGAGAACACATTCGGGTGGTAGCTGGCTTGTGTGATAGACCTGAT
TGTTCTTAGTTTTTCGCTTCATTGCTATTGTGCGCCAGCATCGTTGTACCGTGTTCCTGTCCTCTCTGCCTCAT
CCTTTTGCTGCTCCTTGTTCTTCCAGTTCAAGGATTTGGGCAAGTATGATGATTCTGTACAGCTCTATATAATGAA
TAAAAATTGTGAAAAACATTTCCGCACCAAAAAGTTCTTGCTTCAAATATTGCCTTTATAATTCCTTTTACCCCT
AATTTTTTGGTGGGGGTTTTCTTCTGTTTATATGCTTGTAAGATAAAATCTCGTACAGAAAACCCTTTTCTTC
TCATTAGAAAGATATTCCATCTACTAAAAA

>trans_s_2132 NM_001063986|Oryza sativa Japonica Group Os06g0300600 (Os06g0300600)
mRNA, complete cds

TCGACGGCCGCCCTCTCATTCTCAGAATGCAGAGATCGTTAAGTTTTGCCAGTCAGCTCGTGAAGAGGCGAGG
ATTTTCGACGAATTCTGAGAAAATTGTAGCTAATGTACTGTTTCGAGAGGCTGCCAATTGTGATTCCGAAGATT

GACCCCGTGGTCTATGCATTTACGGAGTTCGGGTTTAGGTGGCAACAGCAATATCGACGCAAATATCCTGACG
AATTTTATAGATAAAGCTGATGCCAGGGGAAAAGGTGACTACCAAATTGATTATGTTCCAGCTCCACGGATTAC
TGAAGCTGACAAAACAAACGACAGGAAGTCACTGAAAAGAGCACTTGACAGAAGACTTTATCTTCTTCTCTAT
GGTCCCTCCATTGGGGCACCTGACGAGAAACCCATCTGGCACTTTCAGAAAAAGTTTACGAGACCGAGGAG
ACATTACGTAAATGTGCAGAGTCAGCCTTGAAGTCCGTCCTCGGAGATCTTCTCATACATATTTTGTGGTAA
TGCTCCAATGGGTCATATGGTTGTACCACCTACAGAACTGCACAAGTTCCAACCTTGAAGCGATTCTTTTTTA
AATCTCAAGTGGTTGCAACCGATAAATTCGATATTGGGAAATGTGAAGATTTTGTATGGGGTACAAAGGATG
AATTGTTGGAGCATTTTCTGATCAAGCGGAGTTTTTCAAGAAGATGATCATCAGTTGATGTTAGTAGATTGAC
GATAGGAAACCTCACATAGATTGCCTCAATCAACAAATTTATGGTCAGGATGTAAGTGGCGCAGAAAGATTGA
GTTATGAAATTTTAAATTAAGGGTTTGAGGCTGGAGGTTTTGTTTTGTGTTCTGAATGTAAATGGACGAATG
AGGATAACAATTTGGAATCAGTATTTAGGCATTTTCTTCTGCTGTTCTTTGAT

>trans_s_2133 BT010505|Arabidopsis thaliana At3g20510 gene, complete cds

TCATAAGGCAGTTGAGAAGAATTGGAAAACCTCCATTCTCTTTGATCTGTGAAATCAAAAAGAAGGATTTAT
TCAAAATCTGTTATTCTCGGAAAACCCAATTTGAAACATGCATGATTTCTGCTTCACAATCCCTTATGGATTGA
TTTTAGTTGGTGGTGGCATTTTTGGCTACCTCAGGAAAGGGAGCATAGCATCGCTAGCTGGAGGTGTGGGTA
CTGGATTGGTTCTAATTCTCGCTGGATACTTGAGCCTTGAGCTTTCAAGAAGAAGAAAAACTCTTATCTTGCT
CTGATTCTTGAGACTGTATGTAGCGGTGTGCTTACCTGGGTGATGGGTCAGCGCTATTTACAGACTTCTAAGA
TCATGCCGGCTGGCATTGTAGCTGGAATCAGTTCTCTCATGACTTTATTTTACCTGTACAAGCTCGCAACTGGC
GGTAACCATATTTCTCCCAAGGCCGAGTAATGATTTCAAACACTTCCGATATTCAATATGGGAAACGCACTGG
ATCACACTAGAACTCAAACAATGTATTAGTATACAAACAATTGCTGTTATTGCTAATTTATGTTGGACGTGTA
AACTGAATGATCATTGCTGAATATAGATAAGGTGGGTGAAAGAAAGGCTTAGAGTTGTTATTTGAACGTGTG
CTTGGGGAAGCTCTGAGCTGTTGCTGGATGAGTTTGTCCCCGCTCTTTTACATGTGTTCTTACTTGGAATCAAG
TTTTCTCGTAAATCTTTGATTCTGTTACAGATTCTTGTTGTATTTTTTTCTTCTGTGCATCATCTTTTTTGTCA
TTGATGTAGTACTTAATGAAACCGACTGGGAGCTAAAAAACATCTTTGCTGACATTCCACATTGTCAAATATTC
AAAGATTTTGTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2134 XM_002890199|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SNF7 family protein, mRNA

AACCCAATTCCCACCGTTGAATTCGCATCTTCGTTCTCCTCATCGTTGCATTCTCAAAAACCCTAGATTTCAAAT
TGAAGTTCTCTGTATCTTCACAAAATCAATTACTGTTTTGATCATGGGTAACACGGAGAAATTGTTGAACCAGA
TCATGGAATTGAAATTTACGGCGAAATCACTTCAACGCCAAGCGAGAAAGTGCGAGAAGGAGGAAAAATCCG
AGAAGCTCAAGATCAAGAAAGCCATGGAGAAGGGAAACATGGATGGAGCACGAATTTACGCTGAGAATGCA
ATCCGGAAACGTACAGAGCAGATGAATTATCTCGACTCTCTTCGCGGCTCGATGCTGTTGTGGCTCGTCTCG
ATACGCAGGCAAAGATGTCCACCATAAACAAATCTATGGGCTCGATCGTCAAATCCTTGAAAGTACTTTAGC
CACTGGTAATTTACAAAAGATGTCGGAGACCATGGATCAATTTGAGAAGCAGTTTGTGAACATGGAGGTACA
AGCTGAGTTTATGGAGAATGCGATGGCGGGTTCGACATCTCTGTCAACGCCGGAGGGAGAGGTGAACAGCTT
GATGCAACAGGTGGCCGACGATTATGGATTGGAGGTTTCTGTGGGTCTTCACAGCCGGCAGCTCACGCTGTT
CCGCCAGGGAGACCGAGAAAATCGACGAGGATGACTTGTCAAGGCGGCTTGTGAGCTTAAGGCGAGAGG
GTAATCAATTTATACTAGAATTAACATCTGCTATTTGTAAATCTACGCATTTTATTGCTCACTTGTATTTTAGTA
CCTACGAGAACTTTATATTATGTATAAATTTGAAGCATTTGATTTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2135 U36430|Glycine max dynamin-like protein SDL5A mRNA, complete cds

CGAACTAAGCCGTCTTGGAAGGCCTGTTGCAAATGATGCTGGGGGTAACTATACATGATTATGGAGATTTGT
CGGGCTTTTGATCAGAATTTTAAAGAGCACCTTGATGGCGTGCGTCCTGGTGGTGATAAAATTTACAATGTCTT
TGATGACCAACTTCCTGCTGCGCTGAAGAGGCTGCAGTTTGACAGGCAACTGTCAATGGAAAATGTAAAGAA
GCTTATTACTGAAGCTGACGGATATCAACCTCATTTAATAGCTCCTGAACAAGGATATCGTCGTCTTATTGAAT
CTACTTTAGTTACTATTAGAGGCCAGCTGAGGCATGTGTTGATGCGGTTTCATGCCATATTGAAGGATCTGGTT
CACAAAGCGATGGGTGAACTCTAGAATTAAGCAGTATCCTGGTCTTAGAGTGGAGGTAGGAAACGCAGCT
ATTGAATCCCTAGAAAAGATGAGGGAGCAAAGCAAAAAGGCTTCACTTCAGCTTGTGGATATGGAGTGTAGC
TACCTGACTGTTGATTTCTTTCGGAAGCTTCCTCAAGATATTGAAAAGGGAGGCAACCTACGCATTGATTTT
TGACCGATACAATGACTCATATCTAAGGCGTGTTGGAACAACGGTGCTATCTTATGTCCATATGGTTTGCACAA
GCTTACGGAACTCGATTCCCAAGTCCATTGTTTACTGTCAAGTACGAGAAGCCAAAAGAAGCCTCCTCGACCA
CTTTTTCACTGATTTGGGAAAAGTCTAGAGCAAAAACGCCTATCATCATTGTTGAACGAGGATCCAGCGATCATG
GAACGGCGTACTGCCCTAGCTAAGAGGCTCGAGTTATACAGAAGTGACAAGCAGAAATCGACACGGTTGCT
TGGTCAAAGTAAGATTGTTACATGTATAATATCTTTTTCATATGTGGGAATGGGGA

>trans_s_2136 GU397111| *Begonia robusta* voucher Glasgow Botanic Garden 00804200 tRNA-Lys
(trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

AGGGACGCCTACATATTTTGGGGTTGCTAACTCAATGGTAGAGTACTCGGCTCCCGGACATAGCTAGAATCTT
TTACACATTTCTATGAAGTAACAGATTTCGTCCATACTATCGGTAGAGTTTGTAAAGACCGCGACTGATCCTGAAA
GGAATGAATGGAAAAGCAGCATGTCGTATTAATGGAAAATTCTAGTAATATTTTACCTTACTAGATTAGGC
CAAACCTGTTTGAATTCCTGATGCGGAAAAAAGTAAAGTCGGGTGCAATGAATAAATGGATAGGGCACTAT
GCTCCAATTATAGAGAAATAAAAAGTAACGGGCTTATGTTCTTAATTTGAATGATTGCGCGATCTAATTAGACG
TTAAACTATATTAGTGCTTGATGCGGGAAGGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATTTTTTTCTAAGTCCTAA
CTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATAAAGAGTTTTTTT
CCAAAATCAAAAAGAGCGATTGGGTTGAAAAAAGGATTCTAACCATCTTTTTATCCTAAAATAGAAAC
CAATTAGATGACAAAAGAAAAGAGAGGATAGAGAGTCCGTTGATAAGTCTTACCTATTTACGAGGTATCTATT
ATTATCTTTATTTTACTGTAATACCTTGTTTTGACTGTATCGCACTATGTATCATTTGATAACCCAATAAATCCC
ATTATCGTATCCCAGTTCAAATCAAATTTTAAATGGAGGAATTTAAAGGATATTTAGAAGTTGAGAAATCTCG
GCAACGTGACTTCCTATACCACTTATCTTTCGGGAGTATATTTACGACGATGCCGACCAGGGATTGGCGGAT
GTTGCTTTAAGGACTCCGCCAGCACCTTATGAGAAATCAAAGTCTTTGGG

>trans_s_2137 NM_001060735| *Oryza sativa* Japonica Group Os04g0669100 (Os04g0669100)
mRNA, complete cds

AAATTTACATTAATAAAAAAAAAAGTCGATTTATAACTGCGCTCTCTCTAAATCTTAGATAAAAGAAAAAAAAAAAA
AGGTGATCGGAGAATCGAAGTCTTTCGAATTCTTGGGAGGAAATCGTCAAAATTCGGAGTATTCAATCTGGAA
ATCTGATCCTTGACCTCTTTAGTATGCGCTATGCAGAGATTAAAGGCCTCAGGAACCTTCGATTGTAAGCTCGAT
TTCAGCTGCTGGGTTGAAGAGGAAGGCCGTAAATTCATGGACGGCCGTTTCAGGATACTTTCTATTCTACCAAG
GATGTATTCGAAAGGCACAGGGTGGTTTTTACAGTCGGGACTTCTGTTGCATCAGTCGCAACCGCCTGGATTG
GGTACACTTTACGCCATTATCATGACATCCAAGTTGACAGAAGACTTGAATCTATTGAGGAAGCTATGAGAAC
AAGGCATCAACTTGAGCATTCTGAACCTACAAAGGTTGTTAATGCAGGAAAGATCAGCGTGCCTGCTTGCTTT
GCTACTGCTGGAAGTATTTGATTATTGGATACTGTTTGGGATGGCGAGGTGGGAAACAGTATGCAAACAAG
CAGTTTAGAAGAGAGCAGATGAAGTTGTTGGGGGAGATTAAACCTAGATGGTCATTGCTCAGAGGCTAAAA
CCTAAAGAACTGATCTTTCCATTTAGGAGATCATCTGGCAAAGCTGGGATGCAAGAAAGTGGCAGCCAAATAC
GGAACAAAAGTCTAAAAGATGCTGCAGCACAAAGAACATTAGGAGAGAGTCAACCAGTCCCAATCAATAGCAT

CATGAGGAAATGGTGCAATGCCATAATCAGAGAGCTATCTGTTCAAGTGGGGTAAAGTCTCATTCTTCTTTGT
CATTGAAAATATGTAGGAAGTGAGGATTTTCTTTTTTCAATACTAATCTTAGTTT

>trans_s_2138 AF357528|Arabidopsis thaliana Golgi SNARE 11 protein (GOS11) mRNA, complete
cds

TTCGTCAAGGACTCTACCGGTTGATTTTTGCAGACGATCTGTCTCGTCTCTTAGCGAACCCATTTCTTCGTCCT
CTAAAGCTAAAATTTTTACCAATCCTTAAGGAAGAGGCGGAGGAATTGGATAGATTTGAGAAGAGAGGATT
CGATTCGCAAATTTTGACCCCTGTTTTTTTTTTTTTTCATCAATAATTGATGTCCATATCCATGGAGATTCCTAGCT
CGTGGGATGCCCTTCGCAAACAGGCAAGGAACTGAAGCTCAGTTGGATGAGCAGATGAATCTTTTCGAA
AACTGGTTTCAACAAAGGGTTCTACGAATGTTGAGACTGCTGATAGTGATGTTGAATCTGGGATAGAACGTCT
GTTAAAGCAGCTACAACAAGTGAATTCACAGATGCAAGCTTGGGTCTCATCAGGTGGTTCCGAAATGGTTTCC
CATACTTGACTAGACATCAAGAAATCTTCAAGATCTTACGCAGGAGTTTTATCGTCTTCGCTCCAGCCTCCG
AGCCAAGCAAGAACATGCTTCACTTTTAGATGACTTCAGGGAGTTTGATCGTTCAAGACTTGAATTGGAAGAT
GGTTTGGGAAGTGCAGAACAACTCTTCTAAAGAGCATGCAACTATTGGCCGTAGCACAGGACAGATGGAT
AATGTGATTTACAAGCTCAAGCAACCCTAGGTGCACTTGTCTTTCAGCGATCGACCTTTGGTGGCATCAACTC
AAAGCTTAGTAATGTTAGCAGTCGCCTTCATCGGTAAATCATATCCTTGCAGCAATAAAGAGGAAAAAGTCA
ATGGACACAATCATACTCTCTTGTGCGTCCATATGCACATTTCTGATCTTCATCTACTGGTTGACCAAGTGA
GTTGTGATTATGTTCTCGGGCACTGTGTTTAGTGAAAGTGTTACATGCTT

>trans_s_2139 XM_002331437|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

AGAATTGCCAGTTTCATCAACATTTAGCCGAGAACTGGACTTGGAAGTGTCTGCTCTCCAGTTTATGATACG
AGAGTACCCAGGAAATGAACAAGAGAAGATGAGAGGAGCAATTGGGAAGTTTGGGCTCTCCGGCAAAGCTC
AAGTGATGCCAATGAAGAATTTGTCTGATGGGCAGAGGAGCCGTGTTATTTGCTGGTTAGCATGGAGAC
AACCCACCTATTATTGCTTGATGAACCCACAAATCATTTGGATATCGAGACCATCGATTCATTGGCTGAGGCA
CTGAATGAATGGGATGGAGGTATGGTTCTGGTAAGTCACGATTTTAGGCTTATAAACCAAGTGGCCGAGGAG
ATATGGGTGTGCGAGAATCAAGCTGTAACCAAATGGGAGGGTGACATTATGGACTTCAAGGCACATTTGAAG
ATGAAGGCTGGATTAGCTGATTAAAGCTGTAAAATCGTGAGTTTACCTTATTAATCTCTATACCATAGACCG
TGGCTTAATTGTGTCTCATCATATTTGCCGCGAGCTCGGCCAGCATGTGTGCTTGATGTGCCGACACAACAAGC
CAAAGTCTTGAACACTGATGATGGATGGGGCTTGGTTATTGTTTCGAGCCAGGAATTTAATGGGCGTAGTA
GGTAATTAATGTTTTGTTTAATCATTCAATGTTACCCCTATATCTTTCAGTTGGTTTTTGAACCAACTAGATAG
AGCTATATGATGTCTAATTATTTATGTTTAGACAGACAGCATGCGACTACAAACAGACAGAGTCTTATATTTT
GGTTTTGATTTCTTATTTTGTCCAATTTGATTACCCGAGCTTACCTAAGTAATGTAGCAAAGCGAGCTTGTAA
CAATAATATTTTGAGATTTTTGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2140 FM211595|Arabidopsis thaliana mRNA for chloroplastic nicotinamide adenine
dinucleotide transporter 1 (NDT1 gene)

GCTGCTACAACCTATTGCAACCAATCCTCTATGGGTAGTCAAGACCAGGCTTCAGACACAGGGAATGAAATCTG
GTGTGCTACCATATAGAAATACAGTGTCTGCCTTAAAGAGAATAGCATCTGAAGAAGGCATTCGTGGATTGTA
CAGTGGTCTTGTGCCTGCTTTGGCCGGTGTAAGTCACGTTGCAATTCAGTTTCCAACATATGAAAAATTA
GTTATTTGGCTAGTAGAGACAATACGACAACGGACAACTCACTGCACGTGATGTTGCGGTTGCCTCATCTGT
CTCCAAGATATTTGCTTCCACGTTGACCTATCCACATGAGGTTGTACGATCCAGGCTTCAGGAACAGGGGTTTC
ACTCCGAAAAGCGTTATTCAGGCGTAGCTGATTGCGTAAAGAAAGTATTTAGCAAGATGGTCTCCCTGGTTT
CTATCGAGGGTGTGCAACCAACCTTCTCAGGACAACGCTGCTGCTGTCATCACATTTACGAGCTTTGAAATGA
TTCACCGATTTCTTGTCAACTTATTTCTCCCGATCCACATCCACACACATTATGAAGACAAATAACATTTGCTC

AACATTGAACAACTAATCGAGTCGACTCATTCACTATTCTTTGGGTACACTAATTGACCCCCAGTAGTTTGTA
GCAGCAACTCAACACATTCTTGCCTCAGTAAAGTTTCAATGTTATCAAGTATCCTTTCTGGTGAGGAGCAGCAT
GTCGTTTTTCTTCTTTACACCATGACGATGACGAAGAAAATGTCGATAATTAGACACACTGTTTTCTAGTTATT
TCTATTAGATATACCATCTTTTTGTTTGAAATTGTTGAATTGTGACTTGATGAATTGAGTTTATGATAGTGTT
GGTATTCTTTGAGCTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2141 XM_002305503|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

TTGTATTTTGATCAATTCAATAGTTTGGCTCTGAAAAAGAACCATTAGTTTGGGGTTGAGAAAACTCCCAA
AATTGTCATCCGAGGCAAAAAGCTATAAATTGGGCTTCGCCACCGTAACTAAAGCCTTCTTCTTCAATTG
GTAATTTTGGTATCTGAGTTTCAAACCTTATCAAATCATCCATGGCTGAATGGTCTCATCTCCCAAGGATCTCC
TCTACCTCATTTCCCAACGTCTCCAAAATCCTTCGACACCATGCGTTTTCGATCGGTCTGTTCTCTGTTGAGAT
CTGTTGTCTCCCCTAAGCGCCATACATTACCTGTTGATTCCCATTTCTTCCAAATCACGGCATATCTGATCCCA
CTTGGGGTTTCAATCTCACCAAGCGCTCCGTTTTCCGTGTTGGGTCTCCCATGGATCACTCAGACGGCTGGTTG
ATCAAGGTCAAGAAGATGCCTACGGAATGATTAAAATATCAACCCCCTCTCTAAATCTTACTTCAAGCCCTT
GCCTAAAAATTTCCCAAGGTACTAACTTGTGAATTTCCGGTTTTAGAGCTTTGCCAGGAGTATGTGCTGC
ACTACCTTAATTTTTGGCCTGTGCGTCATCGCCCTGGTGATGCTGGCGATTGTATAGGGAGAAAATCGCTTAC
AAGTGTGTTGAATTATGATGGTAGTCAATTCGTTTTAGTTACTATTATCATGTTTCTGGAAAATTGGCTATGTTTAA
TCGGAGGATGGGCAGTGGAGTACGATTCATCACACTGCATTACCTTATGACGATGTCATATTGTTTAAACGGG
GAGTTTTATGCTGTTGATAATTCTGGGGCCACCTTCGTGGTGGAATCTCAACATAAGGTGACTTTGATTGCTGA
ACCTGTATTCCGTGGCGATAAGAAGATTTTGATGGAATGCA

>trans_s_2142 AB359913|Solanum lycopersicum LeGAD1 mRNA for glutamate decarboxylase
isoform1, complete cds

TTGGTTCATATCTCAAATTTCTCTGTCTCTTTAATCTGTATCTTTCTTTGTTTACTGAAAAAGGGCATCACCA
AGATATGGTTTTGACGACAGTTGCAGACTCTGGAGATTCTGTGAACTGCACTTTTGGTTCCAGATATCTCCGCT
CTCCTCCTCCCAAGTTCAAACCTGGGAGAGCAATCTATTCCAAAGGATGCAGCATATCAGATCATACACGATGA
ATTGATGCTTGATGGAACCTCCAGACTGAACTTGGCTTCTTTGTTACTACTTGGATGGAACCAGAGTGTGACA
ATCTCATCATGGCTTCTCTCAACAAGAACTATGTTGACATGGATGAGTACCCTGTCACTACTGAGCTACAGAAT
CGCTGTGTCAATATGATTGCTCGCCTCTTTCATGCTCCCATCGGAGATCAAGAAGCTGCAGTTGGTGTGCGAA
CTGTGGGATCATCAGAGGCTATAATGCTGGCGGGTCTTGCTTTTAAAGGAAATGGCAACAAAGAAGAAAGT
CTCAAGGCAAACCCTATGATAAACCTAATATAGTCACTGGTGCTAATGTTTCAAGGTGTGCTGGGAGAAGTTTGC
AAGGTACTTTGAGGTTGAGCTAAAGGAGGTGAAGCTTTCTGAAGGGTTTTATGTGATGGATCCAGTGAAGGC
TGTTGAACTTGTGTCGTCTCTACTATTTGTGTTGCAGCAATTTGGGATCCACTCTGACTGGAGAGTTTGAGG
ATGTAAACTCCTTAATGAACCTCTTCTAAGAAGAATAAGGAACTGGTTGGGATACCCCAATTCATGTTGAT
GCAGCTAGTGGAGGCTTTATTGCTCCATTCCTTATCCTGATCTCGAGTGGGATTTTAGATTGCCTCTAGTGAA
AAGTATCAATGTCAGTGGTCATAAGTATGGGCTTGTGTACCCTGTGTGC

>trans_s_2143 XM_002874105|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L13, mRNA

AGTGGCTGGAAGTCTGAAAGAGAAAGCTCACTCCGCCGCGTTAGGTAAAAAATGAAGCACAACAATGTTATC
CCTAGCGGCCACTTTAGGAAGCACTGGCAGAACTATGTCAGGACCTGGTTTAACCAACCTGCCCCGAAGACTA
GGAGAAGAAACGCTCGTCAGGAGAAAGCTGTGAAGAACTTTCCCGCCCACTGCTGGACCACTCCGTCCCG
TAGTTCACGGTCAGACATTGAAGTACAACATGAAAGTGAGAGCTGGTAGGGGCTTTTCTCTTGAGGAGTTGA
AGGCTGCAGGTATTCCCAAGAACTAGCACCAACAATTGGCATAGCAGTTGACCACCGCCGTAGGAATCGAT
CTCTTGAAAGTTTACAGGCTAATGTACAGAGGTTGAAGACATACAAGGCGAAGGTGGTTGTCTTCCCAAGAC

GTGCTCGTAAATTTAAGGCTGGTGATTCTACTCCCGAGGAGCTTGCAAATGCCACCCAAGTCCAAGGACCTTA
CCTGCCTATTGGGCGCGAAAAGGCATCGGTTGAGCTTGTGAAGGTCACCGAGGATATGAAATCATTCAAGGC
ATACGACAAGCTACGTGTTGAGAGGATGAATGCACGACATGTTGGAGCTAGATTGAAGAAGGCAGCAGAAG
CAGAGAAGGAAGATAAGAAGTAGATTGCCATAACGACTGCTTAGAGGTGGTTGTATTTTCTGAATTTTGGTAT
TTATTTTACAACATTTTGGATTGACATATCTTCTGGACTTAATTTGGTAGATGAAAGGTCTGAATTCATGGAC
TCAACCAGTTAATTGACCTTTGTTTTTGGTCTTGTGTAGTATTGGCACTTCGTTGTGGTTTACCGCATCCAAATT
AGCTTTTTGCAATCTTTCATTTGGTTTGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2144 NM_121242|Arabidopsis thaliana carbon-nitrogen hydrolase family protein
(AT5G12040) mRNA, complete cds

TGGTATAAAACAAAATTCTCAAGAGACTGAAATGAAAGCAGCCATTTCTTCATTGATAAGCTCCAGAAATTTCA
ATCTCCATCAATCCTCACTCTCCCGCTCCATTTCCGGCAGCCTTCCCTTCTTCTACCGTCTCGCTTTCCGGTCTC
ATCCACTGGCGGCGGGCGGGCGGGCGGAGACGCCAATTTATCACCTGCACCATAAGTTTCGTTTCCACTCC
ATCAAGTCTCGGCAAGTATGGCATCATCTTCAATCCCGAGCAAGCTAGATCTCCACCGGCACTTCCGTTGTC
GATCCCTCCCGTAACAAAAGTTTAAAATCGCGCTATGTCAATTGGCGGTGACGGCTGATAAGCAAAGGAATATT
GAACATGCTCGTAAGGCCATTGAGGAGGCTGTGGAAAAGGTGCCAGCTTGTTGTATTGCCGGAATATGG
AATTGTCCTTATTCACATGATTGCTTACCACCTTATGCCGAGGACATTGAAGCCGGTGGTGATGCCTCCCTTC
AACAGCCATGCTGTGGAAGTTTCTCGCCGTTTAAAAGTCACAATAGTCGGCGGCTCAATTGTAGAGCGCTCG
GGGGATGAACTTTATAATTCTTCTTGTGTTTTGGTACTGACGGAAAGCTGAAAGCTAAACACAGGAAGATTC
ATCTTTTTGATATTGATATCCCAGGAAAGATCACTTTTATTGAGTCCAAGACCATTGCAGCGGGTGAAACTCCT
ACTGTTGTAGACACAGAAGGTCGACGTATGGGCATAGGAATCTGCAAGGACATCCGTGTAACAGTAATAAC
AATGAAGCATAACGCAAAAGACACTCACTCGATTAGCGACCATGGGGCATAGAAAATAACTACTTGCTGGGC
TCATCAGAAGTTGGACGTATTGGCATAGGAAATCTGTATGACATCCGTTTT

>trans_s_2145 NM_119793|Arabidopsis thaliana ALDH3F1 (Aldehyde Dehydrogenase 3F1); 3-
chloroallyl aldehyde dehydrogenase/ aldehyde dehydrogenase (NAD) (ALDH3F1) mRNA, complete
cds

ACTTGCAAGTCTACTGCTCAACGGATCGTTGTCGGAAAATTTGGAGCCTGCGCCGGTCAAGCTTGCATAGCAA
TTGATTATATCCTTGTTGAACACAAATTTATATCCACCTTGGTGAATTGCTGAAGAAGTACATCAAGAAATTC
TCGATAAAGGTTCAACGAAGCGAAAAACATGGCGAGAATCGTAAACAAACAAAATTTTTGAGATTGAAGA
ATATGGTGGATGAACCTGCTGTCCAAGCTACAATCATTTATGGAGGATCCATGGACGAGGACAAATTGTTTCGT
TGAGCCGACTATTCTGTTGAACCCACCAAACGATGCAGAAATTATGAGAGAAGAAATCTTTGGACCAATCCTT
CCCATAATTGGAATGGATAAGATTGAAGACAGTATAGATTTATCAATTCAAGGCCTAAGCCTCTTGCCATTTA
TGCCTTCACAAAAGACAAAGCTTTCAAAGAAGACTCGTCTCAGAAACTACGTCCGGCAGCTTGACATTTAAT
GATGCAATTATTCAGTATGCAGTGGATACACTCCCGTTTGGAGGGGTTGGTGAAAGTGGGATTGGCAGATAC
CATGGAAAATTCCTATTCGACACCTTTAGTCATGAAAAGGCAGTTGTGAAAAGGAGCTTCTTGATCGACTTCTG
GTTTCAGATATCCGCCCTGGAACAATCACAAGCTTGAGCTGCTTAGACATGCTTATAATTTTAACTATTTTCAGTT
AGTTCTCACTGTTTTGGGTCTGAAAAGGTCTTAATCACTAGAAGATTCTCCCTTAGCTTCTTTCAAATCTTCG
TTCTCGTCTACTCTTACAAATAAACAATCTCTACTTTTGTAGTGACAAAATGTATCAAATTTCAACGAGGTCA
ATCCCATCTTAATTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2146 AY056434|Arabidopsis thaliana AT5g24690/MXC17_8 mRNA, complete cds

GCTATCCTTAATCCATTAACCCCTTTCTCCACCTACTTTCTTCTCTTTTTCTCTCTAATTTCCCCATTTCTT
AGAGAGATTGAGTACCAGGGAAATTCGGAATCCTTAGTCTTCTTCTTCTCTCCCGTTTCAATCTCGATGAC

CATTTAGACAACAGACGGGATTCAATTCAACCTCATCCATAGCCGAATATGTCTCATGCGGTGTTTCAAACGGC
TCAAATCATGCCCATTAAACACCCAGCTTACCACCAACAAGCTATGGCTGCCCTCGGTTGTTAAACTCGGTCCCT
CTTATCGAAATAGAGCAGTTTTGGTGGTCAAGGCTTTCACAACTTCTTCTCCTTCTTCCCTTCTTCTTCTTCT
TCGGGTGTTCTTATGGGGATTCCATTGCTTTTCTGGAGCGTTGCTTTGAAACCCCTCTGCGCCTGCTGGGTC
TGACCTTTTCTTGCCATATCTTCTCCTCTTTTGGCCCTGTTATGAAAGGCCAATTTGGTGCCCTTGTTCTGTA
ACTTTGGAGAAATCCAAGCTTGATTTGTCTCAGAAGCAGTCCAAGTCTAGCCCTGAGACTGCAATTGGGGGAG
GTGGTGGAGATATTGGCAAGAAAATCAATCATGGTGGCGGTGACGGTGGAGACGATGATGGTGTATGATGAT
GATTACTATGATGAGTTTGATGATGGCGACGAGGGAGATGAGGGTGGCTTGTTCCGGAGAAGGAAATTTCTT
GAAGAGCTTTTTGATCGTAAATTTGTAGATGCAGTATTAACGAGTGGCAGAAGACAATGATGGATTTGCCTG
CTGGATTCGTCAGGCTTATGAAATGGGTTTAGTTAGCTCGGCTCAAATGGTAAGATTCTTAGCAGTGAATGC
CAGGCCAACTACAACCTCGGTTCATTTACGGGCACTTCCTCA

>trans_s_2147 NM_001058627|Oryza sativa Japonica Group Os04g0129600 (Os04g0129600)
mRNA, partial cds

GGCTGGCATTTCATATACACATTTATGAAATTAAGACAAACTCCCAACGATTGAAGGAGCAAGGTAGCCCA
AAGTTGAAAATGTTGGCGAAAAGGTTGCTTCTATATTCAAGCGCTCTTCAACTCCATATGCTTCCAGCAATTC
CATAAAGCCATCGGAGAATGAGGTGAACAAATCATGGGGTCGGAAGCCGTCTCCTTTGTACTTATTACTGTT
ACTGGTGGTGTAGCTTTGAGTGCTTTAGATGACCTCGCCATCTATCATAGCTGTAGCAGCAAAGCTATAGAGA
AAGCGAGAAACAATCAAGCAGTTAAAGATGCAATTGGTGAACCCATTGCTAAAGGTCCATGGTACAATGCAT
CACTTGCACTAGCTCATAAGAGACATTCTCTATCCTGCACATTTCCGGTATCAGGACCACAAGGCGCAGGGAT
CCTCCAAGTGAAGGCAGTTCGTAATGGAGAGGATTCTGGATTTCTTTCTCCGGCCACGGGACTGGGACATT
CTGATGATGGATGCTCTCCTTTATGTTCTGAAAACGAAGGTAAGCAGAAAACCTTTGCGTATTAATCTCACCGA
GAAGTTTGCTCCTGCTGCTTGTGTCTCATGCACTGGTTGTGACGCTCCAGAGACAGAGAAGAGATGAAGTTAG
CTTTAAGGATAGTGTGAACTATTCTCAAACTTAGCAGTTTCTATTAGTTTTCTGTCCCGACATGATTTTAAG
CTAACCAAAGGATCGAAGTATTCGTTATCCCCACCAAATAATGTTCTTTGAGGTTGAGTTCAAACCATGGTAG
AAGATTTATTAATATAGAACCTTGCTGATATCAAATGTGGAAAAGTATATGGTTCTACCGTAAACCCAATTCC
TAAAGAAAAAATAGTAACTATTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2148 GU732461|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D37)
mRNA, complete cds

AACCTCAACCCGGATCTCTCAACTCTCATTTCCGGAGAGAGAGATAAAACCGACCCTTTGAGGTTGAAGAAGA
AGGAGAAGGAAGAACCAGAGACAAAAATGGCGATCCATAATTGACCCTCCATTCTATACGATGCGGTAATC
ATCTTTCTCAAATCTATCGATTACTTTTCTTTTCTCTCAACAATCTACCATTCTTGCAATTTTTCTCGTTTCCGT
TCGAAGATTTTTCCCTCTTTCATCCATGCGGCGAGGCAGACCCTCAGATCCATTACAGCTACAGAAATTCCC
AATTCAACCATTCAGCCGGAAAATCCTCTCAAAGAGATTCGTTACAGAGGCGTTCGTAAGCGCCCTTGGGGTA
GGTACGCTGCTGAAATCAGAGATCCTTGGAAGAAAAGTGGGTTTGGCTTGGTACCTTTGATTCCGCTGAAGA
GGCTGCTCGGGCTTATGATAATGCCGCTCGAACCTTCGGGGTGCCAAGGCCAAAAGTAACTTTCTTTACATC
CATCCACGATTTCCATTCAACAACAAATTCCTTTTACCAATCTCCCCCTGATTTGCACGATTGCAATGGTTTTG
GTGCTAAGATCGAGTGCCTCAGGCCAATAGGCCTACATCTAGCAGTCTGAGTTCTACCGTGAATCGTTTAG
TGGACCGCGGATTTCTAACCTTTGTCGTCCTGTCTATGGTTGTCGAGGCGGTTTACGCCAGTTTCGCCAG
ATGATTGTCATAGCGACTGTGATTGCTCTCCTCGGTTGTTGATGATGAGGTCTGTGTTCTTGCTTCTTTCC
GTAGAGCTTTGCCCTTTGATCTTAACCTTACCACCTCCGATGGACGTCGTGGATTTAACCGGTGATGATCTTNCA
GCTACTGCTTTATGCCTCTGATGAGTGATGATACCATGTTTGC

>trans_s_2149 XM_002881454|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRPS5B, mRNA

ACTTCTCTGAGGCCACGGTCAGCCATTGGAGCAGCTCAATAATCCTTTGACTCCCTACTACGGAATCATGGCTG
TTGAAATTGATGTGGTAAACCAGGAAGTACCCAGCCTCATCATGATGTGAAGCTGTTCAACCGGTGGACCTT
CGATGATGTCCAGGTGAATGACATCTCCCTGGTTGATTACATTGGGGTTGCACCTGCCAAGCATGCCACCTAT
GTCCCCACACTGCTGGGAGGTACTCTGTCAAGCGTTTTCGAAAAGCTCAGTGCCCAATTGTGGAGAGGCTCA
CAAATTCATTATGATGCATGGGAGGAACAACGGAAAGAACTTATGGCTGTTAGGATTATCAAACATGCAAT
GGAGATTATCCATCTTCTAACCGATCTCAACCAATTCAAGTCATTGTTGATGCCGTTGTTAACAGTGGGCCAC
GTGAAGATGCTACTCGAATTGGTTCAGCTGGTGTGTTAGGCGTCAAGCTGTGGATATATCGCCTTTGCGTCG
TGTTAACCAAGCAATCTATCTTCTTACAAGTGGTCTCGTGAGGCTGCCTTCAGGAATATCAAGACTATTGCAG
AATGCTTAGCTGATGAACTTATTAATGCAGCAAAGGGTCTTCAAACAGTTACGCAATCAAGAAAAAGGACGA
AATTGAGAGAGTTGCAAAGGCTAATCGTTGAGGTTATATTTCACTGTTGTTTTATGTGGCATAGCACGAGTTT
TATGTTATTTTTCTGTGTGGCCACATTCATCTAATGAACACTATCGTGTAAGATTCTCTTTTTGGATTCTTGT
GGGACAGTTCATATCTACTTGGTTTTTTAGGCTTTTTGAAGTTTTGATGTCATTGTGTTTTCATCTGAGTTAG
CTATTGCACGATGTATTTTTGAAGGTCTAGTATAATCTTTATTTT

>trans_s_2150 AB181423|Magnolia stellata DNA, microsatellite marker stm0246

TATTCTGGTGTCTAGGCGTCTTATCTGAGCCGGGACTGAGAAATTGAGGATGGCGGCTCCATGGCTAGTACC
CGGAATTCCCTTTCTCTTCTCTCAAAAATGGCGGAGCCACCCTCCCTTTCTGCCAAGGCTGCTCTGGAGGCT
CTGCCATGGCTGAACAGAGATACCTACAGGGAGTTCTTGGTACTTAGTCCGTCCCATTTCTCTCTTTCTTTGTT
CCAGCAATGACGACTGCCTGCCGTCCGAGCCTCTGTTCAATTTGACTCGGCGATGATGGCTACGCAGGCTTGT
ACCATAAACATATCCTTCTTTTGGTTTTCTTCTTCTCCGATCTTCTGTTTTATCTGTGGTTTAGTGTGCTTG
TCCGTAAGGTTTGTGGAGTTAAGTTAGATTTGTTTTCGGATTGTTTAGACAGATCATCCTCTTTAACAAGTC
ATGATTCTGTGACTGAACTGTGTAGGATATGAGAGGATGTAGGAATGGTCTTAAGATAGTCGTGGGATATTT
CTTCTGAGTTTATCGTTTGTGTAAGATGGCCTAGTTTGCACTCATATGCTTCCATTATCTTTCTTTATGAACT
GCTTTCTAGTTTCTTCTCTTTTGTTCCTTCTTCCATTGCAGTAGTATAGAGATTCTCGCTTCTTTATGTTTAAG
TTTTACAGCAAATAAATTTATTGATGTTTATGACATTAGATTTTGAGGTTGTTTCCATTTTCTTGGCTAACTACA
AAAACACCCGGAACCTTATTATATGTTAACTTCTTGTGCTATATTACCTCGAACCAATGTGTTAGACATTGG
GACATGAACACTGCCACACTTTTAACTTGTCTGTGCCCCAAATCTTTAATTTTTATCAATCGATCTTATTGAA
TGGTTAGAATTTTAGTAGTTTTGAAATATTT

>trans_s_2151 AY081257|Arabidopsis thaliana glutaredoxin-like protein (At5g63030) mRNA,
complete cds

GGCATTGAAGATATCCGGCGTTCGGACGGCCGTGAAAGCTTATTCCTTTACTTTTTAGTAAATGAATTCGACA
TAAAAGATTCGTTTCTTTAGACCTTCAAATTCTTCTCTCCATTTCAAATTCAGAATCATTTCTTCATAGCAAAG
ACTCCTTGAACTCTCTTGTTAAGCGAGATCATGGGGTCTGGTTCAGCTCAAACAAATTCAGTAAAGAAGAG
TTGGAGGTAGCTCTTAACGAAGTCAAGAAGATAATCTCCACTGACCCTGTTGTTGTTTTAGTAAGACTTATTG
TGGGTTTTGCTCGAGTGTCAAGAAGCTGCTCACACAGCTTGGAGCTAGGTATAAGGTCATCGAATTGAACCAA
GAAAGTAATGGAGATAAAATTCAGTCAGCTTTAGCAGAGTGGACTGGCCAAACCACGGTACCTAATGTGTTTA
TTGGAGGAAAGCACATCGGTGGGTGCGATGCGGGTACCGAGAAGCATCACAGAGGTCAGCTAGTGCCACTT
CTTACTGAGGCTGGTGCCATTGCCGTAACCTGCTCCGCTGTAGCTTTGTTCACTGCTTTACAATCTAGGGA
TGAAGCAAATGTATGTGATGGATATGAGGTGTGTACAAAACAGTTGTGAAAATGGCTTAACGTAGCCTTTTA
AGTTACCTAAAATAAAACGTGGAAGCTGAAGAAATCTATGGCTATGGTTGAATTCCTGCATAGATAAATATTT
GGAACACAATGATGGATTGTTTCTACTTGGTTCTGCTTGCTTTACGGCTACCACATTACAGTTAGCTTAACTACA
AGCGTTGATCAAGGGGTTAAAAGAGACAAGTAATTTGTTTTGGTTCATGAATTCGAAACTGTAGTAATCTAA
TTGCTAAGGTTAAGTTTGTGATTGAAAGAGCAGAGATAGTGCATAAA

>trans_s_2152 tpg|BK000883.1||TPA_inf: Oryza sativa transposon Rim2-M288, complete sequence

CAATCTACCATTTTATTTAAATAGTGTAGAAGTCGTGTCACGTATATATCCACCGGATCCGACGGTGGCGACG
GCCGTTGCTGCCTCTGCTCGACGCAAGCCACCACATGAGTTCGCCCTGTTGTATTATCGTTGGTGCCGAAATCC
TGATCTCCTGAGACGCTGCTTGTGGATAAAACCATTGAACAAGAAACATCACATCATCACATCAAGTTGCC
ATTCAATAAAGTGTTTGTCTAAAGAGAAAAAGGTAAGAGAGAGGATAGCAAATTTGATGGTAATTTTACTCTA
TGAAGTTCAGAGTTCTGAAAGCAGCCCCCCCCACCAGGAAAAGATAGAAAAGAGAAAGCAAAACAAAAAGGG
AATGATAAATGAAGCCTTTCAAGCTGCAGGTCACTCCCAACCCAACTAACAGTCATCATGCAACGCCCAACCT
TCTACAGCTTCAATGGCAGCTTTTGTAGAGAGATCAAAGTTAAGGCTTTGCTTGGCAGTCCCACCTACTTGT
TAAAACGAATTGTGCCACTGCCACCATCTATGGATGCTTGGTTGTTAATCACTTATTCACCGAAAGAAGAGTGA
ATCAATGTAGATTTGGTTGTACGGATGGCGACAATCCTAAGGTGAGTTTTTAAACAAGAAAGATTCTTAAAGA
CGACTAGTTACATCTATCTTTATGCATCACACACGATAGTTTGTACATGATAAATATTTTATAAATATTTATTT
TTGTGTACTTAATAAGGATGAGATGCATAGAAATAGATTTATAGAGAGGATAAATTGTAAATTTGGTTGGTGT
GATTCGGAAAAAAGTATAATTTAGTCTCTGATTTTACGAAGTTTTATCAAATTAGAAGGATTAGATTTTAACTT
TCTCAAACATTACCATGTTTAGAGCAACTATTTAGGGCAGTTGGG

>trans_s_2153 NM_001063966|Oryza sativa Japonica Group Os06g0295500 (Os06g0295500)

mRNA, partial cds

ACAAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAGAAAAAGAAAAATCATCAGATTGATCAGCCAT
GGCAAGTAGGGTTGGAGAAGATGAAGAACTACCATAGCAGCTGAAAATCAAACCTCATCAGAGAAATCATG
GCAGAAGACAGATATAGAGCTTCTGATGGTAATCATAACATTCATCGGAACCATTTCTTTCCAAGCCGGAACA
AACCTCCCGGTGGCGTTTGGCAAGACGGGTCTGTATACTTGAACGACCATAGTTAACATATCATTTTTGACT
CCCTATATTCATTATCCTTAAAGTTTTGTAAATTTAGTTCTTCATGTTTTCAATAAATCTTACCTTTACTATTTG
GAAGCCTTTTTTTTATTGAAGTTGGTTGGATCACAAATCTTTTTATATTCAAATGAGATTCTCAAATTTAT
AAACAAAAAATCAAGACATTTCTTTAAACGATAATAAGCGACTTAACATAAACGGAAATATGAATATTTTA
AATATTTATTGAATGAATGGTTTGGACCTGGATGTCTAAGAATATACTAACAAAAAATAATTGTTTTTC
AAAATATATAGTAAGTCGAACTCAAATATTTACAAATATCACGAAATATTTTCGTCTATTTAAGATAAACTATA
GTAATATTCGATCAAGATATTTTAACAATTAATTAATAAAAAAATAATTTTAAAACTAGGACGTTTTCG
CACTTAATTATTAATTTTAAAAACGTTTCCAACATTCAATTTCTCTAACTTCAAAGGTTACAAAAGCCTTTTCG
ATAATTAATCATTTGATTTTTTAAATTAGTTTCAAGAATAATAATAAATTTAAATTTGAATATTTTAGATTG
GGTCTATTTTATTCTTCGTAACAAATTAGAATTTGTTT

>trans_s_2154 CP001333|Micromonas sp. RCC299 chromosome 15, complete sequence

AAAAGCAAACAGCAAAGTGAATTCTGTGAGCGAATTGTTCTTTCTAAACCGCATCGTTTGGCTCTTCCACT
CTCACTACCTTCTCCGAGATACTCTGTTTTGAGCAAAACAAATCTTCTTTCCCTTTTCTTCCCGATAAAGACGA
TGGGATTCTCCGGGGTTCGATTGTTGTGATTTTGTCTTGTGACGAGGTTATGTATGGCTCAGGCGCCTGTG
CCGGCACCGGGTCTCCACAGCCTCTAACTCCTCCATCAGCCACACCGGCGCCTTCTCCGGTCTTCTCCCTCCA
TCTCCAACCTCAACACCAACAGAGCACCATCGCCTTCAACGACTCCGGTATCGCCTTACCCGCTCCGGATGC
TCCGTACCCGACCAAGTGGTACCTGCTCCAGCTCCGGCGCCTATTGCTCCTACCCCACTCCAATCTCTACTCC
TACTCCTTCCGGTGGTCTGTTGTTCCACCCATTGCTTCTCCTCCTTCACCCACCGGAATCGAGGTGCCTTACC
AGCACCCCAAGGCCGCCGCGGATAACCCAGCTGGAGCGGCGTCGCACATCGGCGGAGCAGCGACGTTGG
GGATCGCTTTGGCTGGTACTCTGTTTCCGCTGATTTTATCGTAGACGTTGATGCGTTGGGTCACTTAGAGATC
TAAATTTGGAGGTGAATTGGAGTGATGGCTGAAGTAATCTTTTGCTTTTTTTGTTTTTGAAAAAATCTCTT
TCCTACACTACTACTGCCTTCACATAATTTCAATGTGAATATTATTAATTTGATGTTTCAGATTTTAGGGAGTTG

GGTTTTGTAATTCGATAGGTTTGGTTACTTTTTAGTATCCATTGTTCTTCTGTTGATTATATTTGAATTCTTTGT
AGATCGGATCAGTGATGAATAAGAGTTTTTTCTTTT

>trans_s_2155 NM_113247|Arabidopsis thaliana EDA6 (EMBRYO SAC DEVELOPMENT ARREST 6)
(EDA6) mRNA, complete cds

AAGAGAGAGAGAGAAGAAAAAGAGCCCTAACCACTGGCCCTCATTCTTCTTCTCCGACGACTGTTCAACAGC
AACAGGTAGCGACGGCCGGTGCCACACCCAAGCGAACCAAAAGCTCCGTCGTTGAGGGTGGTCTACGCTCA
TCCACGAATCTGAGACTTGCAATTGTGAGCCTTCCCCTAGGCTTTTGCAGCATCATTTGACGACTAGTTCTGTCT
TGCTACCGCTTTTGGCTTGGGGGGGTATGCTTTCGACTGTTACCCACACTCCCATTGATCTTAAATTAGTCTACC
CATAACGTCTAAGGATCAGATCTGCAATTTGAATGCTTTTGAATGCCGTCCAGCAAGGTTCCGAGCCCTCTTTG
GTAAGAGTCATTTTGGACTAGCTCGGACTGATCGACTCAGGTCTATGGTTGGTTTTGGTTGATTTTGGTTGGAT
TGAGAAATACCGACTATTAAATCATCATCACCATGTCGCCTCCTGGGGGTTACCAAGGAAGCGAAAGGAGG
TTGAGCCGCTTGTGAAGCCGAAAGTTGCAGAAGCCGATGCAATTTAGCAAATCGACTTCTAGCAGGCTATCT
TGCTCAGAGTTTCTCAGCAACGGCACTTTGTTTGGGGAGAAGTATGAAACGGCTCANACCGAAGCTGTTGG
AATGGCTAACTTGCAGTCAGCTGAGTGTAAGAGGACAAAGCCGGAAGCTGCCGCAGCGGGCATAAAAAAATT
AAATCATAGCTACGCTGAGGTGGCAAGCATCTTGAAGATGGATGGAGCCCATTTGCCTGGAATGTTAACCCG
GGCCAGCTCGCTTGGTGGATTAATAATGGTAGTGCAACGTGGTGTCTTTTATTGGTACATATTTTACTTTGGA
GTTTACGTTGAAATCTCCCATATCTCAAAACACAAGAAAAGTGGAGTGGTCT

>trans_s_2156 NM_179286|Arabidopsis thaliana structural constituent of ribosome (AT1G08845)
mRNA, complete cds

ATGTGTATGCTATGTCGCAGCCGCACATCACCACCAACACTCAGTCAGCTTTCTTTCTTCTACCTCACTCCCTCC
AGCAGTTCCACAAAAAGTTTCGCTTCCAATCGTTTTGGGTTCTTAGTCATATTTTGTTAATCCATTTCAAACGC
AATAGATGGTTTCAAATCCATTCTGATTTGAAATCCTTACAAGTCCATCGGTTCCAAACAGAGGGTTTTGTGCG
AGAAATTTGTTTCGCCTTTTGAATTCCTTCATTTGTGTTCTGTTGGGTGCTCATAGGAGCTGAAATCAGGTTCT
TTAGATACAGAAAGAGCAAAGGGGGGTTGAGTTGGCCAGTAGAAGGAAAAGATGTTGAAACACTTTCTTGGA
AATATGGGGAAACATGTGGTTTGTGCATGTGAAGTGAACAGGTTCAGGCCTTATTTGCTCGTGCCAACAAGTG
ACTTTCATAAACGGGAGGTTTATTGTGCACCCAGAAGTTTCTTTGGTGTAGAGGACTTCTTAGATGATGATAAT
AGTCGGCCCTATACATACCAGAAAGCGAAAAAATCCAAGAATCCGAAAAAGCACATCTCATTTAAGCAACGG
ACCTTAGCTTACATGGAACCATTTACACTTGACGTGTTTCATCTCAAAGCGGTTTCGTTTCAGCATCACTTACACAC
AGGGTGACTTGCAAACAAGTTGCTGTTGCAGGTACCAACTCAAAGATATCAAAGCTGTTCTTCAGTCTCGTTC
AGATATACCTGCTTGTGTTGGCCGTTGGCCGATTTTATAGCTGAGAGGGCTAGAGAAGCCGATGTTTATACCGCT
AGTTATACTCCTAGAGAGAGGGACAAATTTGAAGGCAAATAAGAGCTGTGGGTCAATCTCTTATTGATAATG
GGGATTGATGTTAAAAATTATCTTGAATGAAAAACATCTTATATAG

>trans_s_2157 AY105627|Zea mays PCO089890 mRNA sequence

AGGAGAGTCAGTGTAGTCATCCCTTTGTTTCTCATTTTACAAACCAACCCATAAACACACCTCTTTCTTTCTCTC
TCTTTCTCTCTCTCTTTCTCTCTCTGCGGTGTTGGAGAGCGCTAAAATGTCCACCTTCGACGCCTACAGTATG
GACGGTGAAGACAGCTATGGCGGTTACGGATCCTACCAATTTCTCCGGCGCCTTCCCCGGAGACGCCGATG
TGACCGTCGAGCATACTCCTGCCTCGCCGGACGTCTTTGGATTGACGATCCCAGCCCTAACTACTCTCAGGCT
CCTTTTGATCCGATTATGTAGAGAATGGAATGGAACGGCTATGGTGCGGCTGAGGATGAAGTCGGCGAT
GGTGTGTTCTGATCCGATGGTCCAATTCTTCCCCCTCCTAGCGAGATGGGCGTGAGGAAGGCTATGCTCTTC
GTGAATGGCGTCGCCAAACGCCATTACAGCTTGAAGAGAAGGAGAAAAGGGAGAAAGAATTGAGAATTA
ATTATTGAAGAAGCTGAGGAGTATAAAATAGGTTTCTATGAGAAAAGAAAGCTTAATGTTGAGAGTAACAAG

GTTAACAACAGAGAAAGAGAGAAGTTATATTTGGCAAATCAGGAGAAATTCATAAAGAGGCCGATAAACAA
TACTGGAAAGCAATTGCAGAACTAATTCCCAACGAAGTTCCTAATATTGAGAAAAAGAGAGGAAAGAAGGAT
CAAGAAAAGAAACCATCGATACTAGTTGTTTCAGGGTCCAAAGCCTGGGAAACCCACTGATCTTTCAAGAATGC
GGCAAATTCTCGTGAAATTGAAGCACACACCCCCACCTCATATGAAACCACCACCACCCCCACCTGCCAAGGAT
GCCAAGGATGCCAAGATGGCAAAGACGCTAAAGATGGAAGGATGCCAAAAAT

>trans_s_2158 NM_105339|Arabidopsis thaliana AR401 (AR401) mRNA, complete cds

CAAATTTGACGGCTTTATCGCTAGATCGATCCCACCCTCCGCTGTGATCGGCTCCGTGTCGTACCAACCAAGGT
TCTTCCGATTCAACTCCACTACTCAGATTCTTCTAGGGTTTCTTTTTTCTTCCATTTCTTCCGATTATGGCTGCG
GTTTCGTTTGACGCCAGAAGATGCCGAGTTGTTGCAGCAGGCTCGGGCTGCTCCGTCCGCCGCTGATCTAGTCT
CTGACGATGACCGCTCAGTGGCCGCTGACTCATGGTCCATCAAGAGCGAGTATGGTAGCACCTCGACGATG
ACCAACGTAATGCTGATGCTGCTGAGGCTCTATCTGCTGGGAATTTGCGTCCTGCTTCTGATTACAGTTCTGAC
AAGGATGAGATGGAGCCAGATGCTGAAGCTGTGACATCAATGCTAGGTCTCCAAAGTTATTGGGATTCTCAAT
ATGCTGATGAATTGACAAATTTTCGTGAACATGGTCATGTTGGTGAAGTCTGGTTCGGATCTGGAGTTATGGA
AACTGTTGCTTCTTGGACAAAGAGCTTGTGTTATGATGTTTCTCAAGGTCGGTTTCCGAATCAAGCTGGCAATG
TTAAGACACTGAATGTTGATCAGGGATCCATATTCTTGTCTAGTTGGAGGGTACTTGATATTGGGACGGGAAA
TGGTTTGCTACTTCAAGAACTTGCTAAGGAAGGATTCTCTAATTTGACAGGAACTGATTATAGTAAGGGGCA
ATAGATCTTGCTAGAAGCCTTGACAGAGCGAGATGGTTTTTCCATATAAAATTTTTTGGTATGACTTGGCTCGAGG
GTATTTGATTACCGTACTTATTTTCTTTCAAAATCTTTGTAAATCTCTCTCTATCTCTGTCTATTTTTTCCATA
AAAAGAAACGGAACCTTTCTATTGCTGAAATGAAAAGAGACTA

>trans_s_2159 HQ448853|Nicotiana tabacum nicotinamidase (T-nic1) mRNA, complete cds

TATTTTTCTAAAAAAGAGCATTTCGTGAAGACTACACATTTCCATCGCCTCTTCTTCTTCTCGCTCAAATCACCC
ATTCGCCGGTAAATTGCCGTATATCGGAGGGGCCACCACCGACTCACTCCGCCGCCTATGGAAAACCCCAAAT
CAAAGCCCCGCCGCCGCACTTCCACCGACGCAATCTCTTCATCATACAAAAAATACGAGATCCGCCACAGACTT
CCAAATCCCAAAATCGCCGCCCTCTAGTGATCGACATGCAGAACTATTTCTCCGCCATGGCCGAGCCCATCTT
CCCCAATATCCTCACCACCATCCGCCTTTGCCGTGCTGCATCCATCCCTGTCATCTTACCCGTACGCCCCACGC
CTCTGCCTCCGACAACCCCATCCTCAACGAGTGGTGGAAACGGCGACATTATCCTCGATGGAACCCATGCAGCC
GGTCTCATTTCCGATCTTGATCGGGAGGACGCCGATGAGGTCATCCGGAAGAACACCTACAGTGCATTCCGGA
ACACGCGCCTAGAGGACTGCCTGAAAGAGAAGGGCGTGGAAGAGGAGATTGTGACTGGGGTTATGACGAAC
ATTTGCTGTGAGACAACGGCACGTGAGGCGTTTGTAAAGAGGGTATAGAGTATTCTTCTCCACGGATGCGACG
GCGACGGTGGACTTGGAGCTACACGAGGCTACGTTGAAAAATCTGGCTTATGGGTTGCTTACTTGGTGGATT
GCAAGAGGCTTGGGGAGATTTCTGGTAATTGATACTCCATGCCTTATGGTGTGTTATCACTTTACTACTGTTG
GGTCAGAGTCTCTGATTTAGTATGTTCTTGGTGTTTTACTGTACTGTATGGTAGAACAAAATCTATGGTTTTG
GTATGCTGTTGGCTAGAATCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2160 NM_001058879|Oryza sativa Japonica Group Os04g0271200 (Os04g0271200)
mRNA, complete cds

AACCAAAATGGGTTGCCCAACAAATAACGTAACATACTATAATACACAATTGATTTTAATTATTTGAAAATCA
CATTTCTAAAATCAAATATTCAGAGTCAACTTTAATTATATGAAGTCCACATTTGTGACATTGGATTTTTGTCAA
CTCTTAGGCGTCTCTACCTACCATTTACAATTGGACTCTCTTCTCGGATGGGTTCAAGTCTTCTATTTCTGTAT
CAAGCAATTGAAGGAATCTGGTCACCAACAGGTCTACAATGCCGTTGAACGCCCTCTTCAAGTTTTCCCAAACCG
CCGCTGTTTTAGAGATTCTCCATGGCCTCGTTGGTCTTGTGAGATCCCCTGTAACAGCAACATTACCACAGATT
GGTTCAAGATTGTATGTGACTTGGGGCATCTTATGGAGTTTCCCCGAGGTGAGAAATCATATACTCGTTACCTC

CTTGGTTGTCAGCTGGTCCATCACAGAGATTATCCGCTATGCATTTTATGGCATGAAGGAGACGTTTGGTTTTG
CACCGTCGTTGCTTCTATGGCTAAGGTATAGCACATTCCTATTGTTGTATGTAAGTGGTATCAGTAGTGAAGTT
GGTCTGATCTATCTGGCTCTTCCTTACATGAAGGAATCTGGGAAGTATTCATATAGGATGCCAAACAAATGGA
ACTTCTCGTTGATTACTTCTATGCAGCGATACTTGTCTTGCAATCTATGCACCAGGAAGTCCTCATATGTATA
GCTACATGCTTGTTAGAGATCAAAGCTCTCTCAAATCCAAAAAGAGTAGAAAGAACCAAGGCTAATGTT
ATCCTATTCATTTTTCTCAACAGTGTACTTTAGAAATATTTATCTCTGATTTTTAATTTTTATTTTCATAATCTTT
TTCAGGACTAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAA

>trans_s_2161 NM_001064370|Oryza sativa Japonica Group Os06g0550800 (Os06g0550800)
mRNA, complete cds

AACCAAATTAACCAAATCACAAAACATTCATAGACACACCTCTGTTTTAGCCGCCATTGATGGACTTCGAGCA
ACTTCTCAATCTCTTCGATTCATTCTGGTTCGAGCGTGGAGTCTTCAACAAACATCCTTTCTATCAAACCTACA
ACCTCAAATTCAGATCCCGATTCATTACCCAAGGAATCATTATCATCCACGGCTCCAACGAGATCGATAA
GTGAAGATTTAAGCTCAAATTAAGCTTTATGTCCAGTTCCAATTCACCCGATTCAGTTCTTTTTCTCAAAGC
TTCAAACCATCTTTTCCAGCAAGGACATCGCCGGAGCAGAGTCGCCGGAGACAAGCCGTAAGTTGGAAATTG
AGCGTAGGCCAAAAACAGAGTACAGGAGGAGTTTAGAGGAAGAAGAACGAGACGGTCGGAAAGTCGGAG
CCTTTCAGAGCTGGAATTCGAGGAGTTAAAGGGTTTATGGATTTGGGATTTGTTTTCTCGGAAGAGGATAAA
GGTTCGAGCTTGCGTCGATAGTTCCCGGATTGAACAGGCTAGGGAAAAAGGAAGAGAAAGAAAGTAAAGA
AGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAGAAATTTGGGTGGTGAAATTTGAGGCCTTATCTTTCAGAAG
CTTGGGAAGCTATGGAGGAAGAAGAAGAAAAAGAGGAGTTGGCGAAGAAACCATTGATGATGAAATGGAG
GTTTCCTTCTAATCAGATTGATATGAAAGATAATCTAAATGGTGGGCTCATGCTGTTGCTTCTACTGTCAGAT
GACATTACTCGAATGCAATTGTTCTTCTTTTTGTAAATTTGTTTTTGTGTTTGTGTTAGTTGAATTGGAAA
TTTTCGGAGCTGTTTCTTAAATTTGATCTGATATCAATGTTTGGGGAATATGAA

>trans_s_2162 XM_002323809|Populus trichocarpa nucleosome/chromatin assembly factor group
(NFA905), mRNA

TTTTTTTTTTTTTCTCCTCTTTCTCTTTCTTTTTCCCCCGAAAACTAAACATATTTATTTTGCCTTTCGCTTT
CTCTTCAACTTACGCTCTTTCCCTCCCAAACTAGGTTCCGCCTCTAAATGGTCGCCGATAAGCCTAAAAA
ATCCAAGCCCCGCCGACAACTAGACGCCGACGAACCTGACCACATTGACGTCGAGCTTGTCCATTTTCATCGAG
AAGTTACAGGAGGTTCAAGACGAACTCGAGAAGGTTAATGAAGAAGCAGGTGACAAAGTTTGGAAAGTTGA
ACAGAAATATAATGAGATAAGGCGGCCTGTCTATTTGAAACGGAATGAAGTTATCAAACTATTCCAGACTTT
TGGTTAACTGCTTCTTGAGTCATCTGCACTTTGTGATCTCTTGACTGAAGAAGATCAGAAGATCTTTAGGCA
TTTAGATTCTCTTGAGTGGAGGATCAAAGGATGTAAAGATGGGCTATTCCATCATGTTTAGTTTCAATGAG
AATCCTATTTTGAAGATAGAAAGCTAGAGAAGACATATACATTCTTTGAAGATGGAGCAATTAATTAATCTG
GAACAACAATCAAGTGGAAGGATGGCTCGGGTGCCTCAAACGGAGTTAATGGTGAGAAGAAAGGGAAGAAA
CGACCGCTGACTGAAGACAGCTTCTTCAGTTGGTTTGGTGAAACCGATCAAAGGATATCACTGAGCTTCATG
ATGAAGTAGCTGAGATAATAAAGAGAGACCTATGGCCCAATCCTTTGAAATATTTCAACAATGATATTGATGA
AGACAAAGAGGACTCTGATGGGGAAGATGATGAGGAAAATGGAGACGAAGACAATGACGAAAGCGAAGAG
TGAAACATAGAGGACAAACCCATTTAGACACCCCTGCTTAGGTACCTTTT

>trans_s_2163 AB201544|Nicotiana benthamiana NbNACa1 mRNA for alpha chain of nascent
polypeptide associated complex, complete cds

AGAATCAATCTTTGTGATTTTCTTCTGCTCATCTCTATCGCCATGACTGCTCAGACTAAGGAAGAGCTTCTCGCC
GCTCAGCTTGAGGAGCAAAAGATTAATGCTGATGAACCTGTAATTGAGGATGACGACGACGACGAAGATGAT

GACGAAGATGATGACAAGGATGAGGATGATGTTGAAGGACATGGAGAGGCCAGTGGTAGGTCTAAGCAAA
GCAGAAGTGAGAAAAAGAGTCGTAAAGCAATGCTGAAGCTTGGAATGAAGCCTATCCCTGGTGTGAGCCGTG
TCACAGTCAAGAAGAGCAAAAATATTCTTTTTGTCAATTCGAAACCAGATGTTTTCAAGAGTCCCACTTCCGAT
ACCTACATTGTTTTGGCGAAGCGAAGATTGAAGATTTGAGCTCCCAGCTACAGACCCAAGCTGCGGAGCAGT
TTAAGGCTCCTAATTTGAGTAACTTGACATCAAAGCCCGAACCATCAACCGTGGTTCAAGATGATGAAGAAGT
CGATGAGACTGGGGTTGAACCCAAGGACATTGAACTGGTGATGACTCAAGCTGGTGTATCAAGACCAAAGGC
CGTGAAAGCACTCAAAGCAACTGAGGGTGATATCGTATCGGCTATAATGGAACCTACAAATTAACATGAAGTA
TTATGAGGATGTTTTAATAGGGAGTGTTGGAATCTTTTTGCCTTGCTTTCCCATATGTTTTACCTGCAGAATT
TGAAGTTGAGAGATTGAATGGTCTTTTGTAACTTTTCGTATTAGTTCCTATATTTTATTGTGCTGATTATTA
GCCACAATTTAAGGCTTGCGGTGGGTCTAATATTAATGTGTCTTATTAGATTATGGGTTTGATTTTATCAGTT
GTGTTGAGGATGATGGCTTTTCCCCGGTTATTTATCATCCAGGGAAATTATA

>trans_s_2164 NM_101549|Arabidopsis thaliana uridylyltransferase-related (AT1G16880) mRNA,
complete cds

AGCTGTTGAGGATGGAAGTAATGGTGATACTGATACAATTCCAACGCCCATAGTTATAATAGACCAGGACTCT
GATCAAGATGCAACTGTGGTGAGATAACCTTTGGTGATAGGCTTGAGCTCTTCTGGACACGATGAATGCTC
TGAAAAACCTGGGGCTGAATGTTGTCAAGGCGAATGTCTTTTTGGATTCTTCTGGAAAACACAACAGATTTTCC
ATCACAAAAGCAGATACTGGAAGAAAAGTAGATGATCCAGAGTTGCTCGAGGCCATTCTGTTGACAATTATAA
ATAATTTGATTAGTATCATCCGGAATCAAGTGCTCAGTTAGCAATGGGAGCAGCCTTTGGAGTCATGCCACC
GCAACAACAGGTTGATGTGGACATTGCCACACACATCAACATACAAGATGATGGTCCTGATCGAAGCTTACTG
TATGTAGAGACAGCTGATCGACCAGGATTATTGGTGATCTTGTGAAGAGTATTACCGACATAAATGTTGCAG
TTGAATCTGGAGAATTTGACACCGAGGGATTGTTGGCTAAGGCCAAGTTTCATGTCAGCTATAGGGGCAAAG
CCCTCATCAAGCCTCTTCAGCAGGTTATTTCAAATAGTTTACGATATTTCTTGAGGCGACCTACAACAGAGGAG
GCGAGTTTTTGAGCCAAGAGAGGTAAACCAAACCAGGATAATTAAGTACAAGAAATATTGTCCATTCGTGG
TGTACCATTTACACCCTGTTGTTGTTGTACCATATCTTACCATAATGCTCATTCTACTAGATTTGAACCTCAACA
TTAACATTGTGAATTCACAAGAATATTACGTTTGAGTTGTTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2165 AY037225|Arabidopsis thaliana At2g41760/T11A7.14 mRNA, complete cds

ACAAAAATGGGTTTAGGACCAGATATCTAAGGAACTCAACTAGCCGATTAGATTAAGCCATGGCTTCAAAAAC
ATCAACTGTAGAATCGAGTGATTTGGATGTTTCTCAGTTCCGTCATACTCCTTTCTACTGTGAGGAGAATGTTT
ATTTTCTATGCAAGAAATTATGTACAAACAGATTGGCTGATGCAGGGGGAGCTGATCTTTTTGTTGTTTTCATT
TCTAATGAGAAAAAGCAGACTCCCCTTTGGCATCAGAAAGCCAGCAAAAGAGCAGATGGTCTTGTTTTGTGG
GATTACCATGTCATTTGCATTGAGAGAAAGATAGAAGGTGAATTCCTTTTTTTAGTGTGGGATTTAGACTCAA
CTCTTCCTTTACCTCTCCCTCTGGGTAGCTATGTGTCACAAGCTATCAGGCCGTCATTTCAAATCTCCCCTGAGT
ATCAAAGGCTTTTCAGAATCATTCATGCTCCAATACTTTTTCGTCACTTTGCATCTGATAGAAGGCACATGAAA
GATTCCAATGGAAATTGGATGGCTAAACCTCCTGACTATGAAGCCATTGTTGCCGAAGACGGAACATATGCACA
ACCTATATGAGTATATAGAAATCAAGACAGACGATGTTTATTCGAACAAGACCATTGATGTGAAAGATGCAGT
TTTTTCTCGAAAACCTTGGAGCAGTTGCAAAATGATTTAGAGGAGTTTTTCACTCAAATCTTTAAATAGGATCGA
GAAAATTCTGTTCTTGTTGTACATGCCGATGCTTACCGAAGAGCTACTTGATCGGGAGCCTGTTTGGAAGTGA
TTTTAAATAGATAAAACGTTTTGTCATGGTTTAAATTCATTTTGAAGAAAGTAAATTAACCTTTGTTGGTATAGT
TAAAAAATCTTTTTTACCAAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2166 XM_002864351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C2 domain-containing protein,
mRNA

TTTTATTTTCCCCAACTTTTTCTTTCTCTCGGGATTCTACTCAGTACTCACAATTCAATTTGGTTTTTGAATTAT
AATAATGGCTACCCAGTTGAGAAATTGGGTGTCTTAGAGGAAGAGAAGAAAGAATGTGTTGTTGTGGGAAA
TGAGAAGGAAAGAAATGAAGTTGTTGGTGTCTTGAGGTGTTTGTTTCATCAAGCTAGAGATATTCACAATATA
TGTATTTACCATAAGCAAGATGTGTATGCAAGGCTTTCATTTACAACAGATCCTACAACTCTGTTTCCACTAAA
ACCATCAATGGTGGTGGGAGGAATCCGGTATTCAATGACACGGTTCGTCTCGACGTTCCGGTCGATCGATACGA
CACTTAAATGTGAGATATGGATGTTGAGCAGGGTCAAGAATTATCTTGAAGATCAGTTGCTTGGTTTTGCTTT
GATCCCTTTAACTGAAGTTGTTGCTGTTGACAACAAGTTAGAGAAAGAATTCAGTCTTTCTTCGACTGATTTGT
TTCATTCTCCTGCCGGTTCGTACAGCTATCGCTTTCGTATAATGGAGCTTCTCCGGAGGTCATGGTAATCCCC
ACTATCGAAACAACTGTAGGGGTGGAGAATTCGGACTTAATCAAGTCGTCACATCCAAGTGATTTGGATATGA
TCGAATTCCCGATCCGAAGATTGCAAATGAAGATCAGATAATGGTGTCTGAGTATTTCCGGTATCCCATGTTCCG
AATCTGGATTCTGAATCTTCCGAGAGCTTGCCCGTTTCTGAGAGTGAGAACCATCATGTCAATTTCTGCTGTGGA
AAGCTCGTCGAGTGAAGATACAAAGATCGATTCTCCACTTAGTAAAGTGCAAACGATGCCGTTTCTTCATCG
CCATCACCATCGGCATTGGAAGCTCCCGTGAATTGGTACGCAGTC

>trans_s_2167 AY160772|Citrus x paradisi dehydrin mRNA, complete cds

AACCTACCTAAGCCCCATTACATAATACACAAACCAGCTTATTCATTCTAACCAGCTCACTACTTAACTGCCAA
ATATCTCTCTGTTTTAGTGATCCATCTTGTGAAGTAGTTTATTTACATACCCATGGCGGATTGCGAGAACAAGA
AGGTCGAGGAGGGAGTTCAAGAGGGTGGTGTGAGGCCACAGATCGTGGGCTGTTTGATTTCTTGGGGAAG
AAGAAAGAGGAAGAGCAGGCCGAGAAGCCCCCTGTTTCTGAGGAAGAGGTGGTTGTAGTTACTGAGCAGTT
CGAGAAAGTTGAAGTTTCTGAACCTTACCGCCGGTTCATAAGGTTGAAGTAGAAGAAGAAGAAGAAGAGAA
GAAGCCTAGTCTCTTGGAGAACTACCCGATCCGATAGCAGCTCTAGCTCGTCTAGCGATGAGGAGGAAGG
AGAAGACGGAGAGAAGAAAAAGAAGAAGAAGAAGGGATTAAGAAAGAAAGTTGAAGGAGAAGCTAGGAGG
AGGAGAAGAGGAAAAGAAGGAAGAAGAAGCTAAAGGACGAACACGAAGCAGTAGCCATCCCAGTGAGG
AAGGTGGACGACGCAGCACATCCAGAGGAAAAGAAAGGGTTCCTAGAGAAGATCAAGGAGAAGCTTCCAGG
GCACAGCAAGAAACCAGAGGAAGCTCCAGAAGCGCCCGCCCCGTGCGCCACCGAGGCTGCAGCTCCTCCTCC
TCATCACGATGAAGATCAAGGAAAAGAAAAGAAGGGATTTTTGGAGAAAATAAAGGAGAAAAGCTCCCAGGGT
ATCACGCTAAGGAGGATCAAGAGAAGCATAAGGAGGAGGCAGCTTCTCATTGAAGATGATGATGATATGATA
TCATACTCCATAATGGTTTAGATCAAGATCATAAATCATCATCATCATTGTGGCCTGGAGTCTTGATTA

>trans_s_2168 XM_002876027|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinesin motor family protein, mRNA

ATGAATATTAGAGTTAAGTTTGGTGGTGTCTGCCACTGGTCGTGCGGCCAGGTTTCCCTTCTGGCTTGCAATT
TCTTATCCAAAACCAAAGCAATGAACACTCTAATCCCCACTTCTCCTTGCAACTTCTGCTATATTCCAAGCTTCTT
TTCCACACAACCGCTTTTCCCTAAAGCTTTCGCCATAAAATTACGCCACAGATTGCGCGCCAATTCCAACCA
CCTACAAACCCAGGCAATAGAGGAACCGAAAGAAGAAGAAATGGGATAGCAGCTGAACCCAGCAGCTAA
CCAAGGCGTCTCTGCTCCTGCACTCGATAAAGACCTCAAGAAGGTTGTTCAAAAGACTGCTGCAACATTTGC
ACCAAGGGCCTCTACTGCCTCAAAAAATCCTGCTGTACCTGGAACACTTTATATACTGTCTTTGAGGTTCAAG
GCTATGCCTCAATGTTGTTAGGCGGTGTTCTATCTTCAATCTTTTATCCCCTCAAACGAACCAGATATATGGA
GATTAATGGGAATGTGGTCAATTTGGATGTTACAATACCTTCGCTCCGAGCACGGGACTGCTCAAAAAATGA
GAAAGAAGCTCTCAACTATCTGTTTCTCCTCATCCCATTACTCAACGTTATAATTCCATTTTTCTTGAAGTCTTTT
GCAGTCGTCTGGTCGGCGGATACCATTCCTTCTTGGCATGTATGCTTGGAAGTTGGGATGGTTTTAGAGAA
GAGACTTGGACCTAGAATAATCAATCAAGATTTTCGGATTGGAGTCGAAACTGTAAAAAGAATTCTAATGTA
TAAAAGGTACAGTAATTATTTGAGTTCTTATGGAAGGTAGTAATATATTGTTGATATCCCTCAATTTCAAATTTA
TGCCTGCATTTTTTGAATTTGTTATAGAGCTCAATCAAAC

>trans_s_2169 NM_128950|Arabidopsis thaliana iqd9 (IQ-domain 9); calmodulin binding (iqd9) mRNA, complete cds

TTCATCTTTACTACTACGACTTCACAAAGCTGGACCAGTTGTGCGACTGCCCTTCTCTTTCAAATTGGAATGGCT
ATGCTTTAGAAGTTTAGAACTGTTTCTTCATTGATTTCTTCTCCAGCCTTTTCCTTTCTCTGCTTGTAGGATAC
AAGCACTTCGTTTAAAGATGGGTTCTGGACGTTGGTTTAAGGCAGTAATTCGCTTAAAAAAGTGAAAACCAG
CAGTTTCGAAACAACTAAGGAGAAATTGGATGATTTGCAAAAAGATTCCCCAAGGTTTAAAAATGATGGTGCT
AATGGGAAGAGTAAGTCTTTTGGGATGCCGATTGAAGATGTAGCTGCAGTTTCAATTCAGACAGCATACCGA
GCATATCGTGCCAGGAAAAATTTACGTCTCTTGAAAGGGGCCCTTCAGACTGCAGAATCTGACTCAAGGTCATT
CCGTTAGAAAGCATGCTACATCTACACTAGGTTATCTTCATTCATGGAGCCATATACAGGCTCAAATTAGGGCT
CGTCGACTTTGTATGGTGACAGAAGGACGACACAGACAAAAAAGATTACAAAATCAACGAAAACCTGAAGCT
AACCTTCATGATATAGAGGTGGAGTGGTGTGGGGGTGCAGACTCCATGGACGGGATTCTTCAAGGATACAT
GATAGAGAAGAAGCAGCTGTTAAGCGCGAGCGTGCTTTGGCATATGCATTCTCACATCAGTGGAGAGCAAAC
TCTAATGAGATGTATGGGTTGGGTAAAGATGAACTTGGTAAAGCCGATTGGGGTTGGAGCTGGAAAGAACG
ATGGATAGCTGCTCGTCCATGGGAAAGCCGTGTACCATCTCAGTTTGTAGTCCAAAGAAATCTACAATCAGA
CAATCAAGCAAAGTCAGTAAGAGAACTCACCATCCCCTAAAGCACGAGGTC

>trans_s_2170 AY062557|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g13760; MXE10.3) mRNA, complete cds

CTTGTGCTCATTGTTGTCTTCACGTCATGAACTCGATCTTTCGACGCGGTAATAGTTGGGCTTTTGTGCAGATA
GCTTCATATGGAAGATTCGTGCGAGCATCAAGATACTTGGAAGCTCTTCGAGATGACCGATATGGTAC
AGATTGTTGACTCGGATATAACAAGCTCAATTTGCTTCCTCACCAGGATTTGTAGTGGCTGTATTTGTGTCATT
GTTATAGCTAGCTGGACTTTACAGTTCATCGTGGCTTCACGGCTACTATTTCTTGCTAAGCTTCATAATTGGA
TACCTAATGACAAGGATTGCAATGGCACTGCCCCATGCTTGTGTGAGTTGTTATTACGTATGTTATGCCAAAAA
TCCTGAGAACCGACTCTTCGACGATACTATCAAGGATCGTCAAGCCTTACTAAAGTCTAACCGAGATGTAGTC
ATGACGCCCCGAATGCCACGCAGAAGCAGGACATGATCATTCTCATTGAAGCTAACTTATTTCTGACCCCCAA
ATGCTGCATTCAGAATAAACTTGGAAACACTACTACTCCCTCCAGCTTAAAAGGCCATTGTTTCAAATTGTAAA
TATGCATTTTGATCTTGGAAGGTCAAATTTTTTGTATTGTTATTAGATGCTCTTTTGGCCATTGGAAGAAAAGA
GAAATGGATGGATTATAAGGGAATATCACATGCTATCCAAAAGGGAATATCAGAGAGGGGAAAAATAAATTGCG
ACATAAGCATTTGGGATATCCCATAGCATAAAAGTAGGGCCCATCGCTTGTATTGTTAGGTAAGAACCCACC
ATTGTTTTATTATGGTAAGTGTAGTGTCTATGTGTACAATATTTGGTTGAGTACTTCTAATAAATTGAGTCT
TAAATGGATATTATCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2171 AB108499|Lithospermum erythrorhizon mRNA for LEDI-5c protein, complete cds

TTGCTCAGTGGCCAGTGCCTCTGGCCTCCGTCGGGGAGCAAATGTATAATTATGTCTATTTTGTTCATTGTT
GTCTGAAATTTATAAATACCCAAAGGAAGAGCAACACACAAAGAAAGGAGCAAAGTTAAAGCAATAGAAATG
GCTGACAACAACAATGGTGCCTGCTCAAACCCCTACCATTCCTGATCTCCTCACTCCTTACAAGATGGGGAA
GTTCAATCTTTCTACAGAATCGTACTGGCTCCATTGACAAGGCAGAGATCTTACAACAATGTTCTCAGCAAC
ATGCCATCTTGATTACTCCAGAGGGCTACCAAAGGGGGTTTCTTAATAGCTGAGGCCACCGGAGTTTCTGA
CACTGCTCAAGGGTATCCTGATACACCTGGGATATGGACAAAGGAGCAAGTTGAAGCTTGGAAACCAATTGT
GGATGCTGTTTCATCGCAAAGGTGGAACATTCTTTTGTGAGATATGGCATGTAGGGAGGGTTTCAAATTCAGGT
TTTCAACCAAATGGACAAGCCCCAATCTCATCATCAGACAAGCCATTGTTCCCGCAAGTTAGATCCAACGGAAT
TGATGTTGCACAGTTTACCCCTCCGATACGTTTAAGGACAGATGAAATCCCTCAAATTGTCAATGATTTTAGGC
TTGCGGCTAGAAATGCCATTGAAGCTGGTTTTGATGGAGTTGAAATCCATGGAGCTCATGGCTACCTTATTGA
ACAGTTTATGAAGGATCAAGTGAATGACCGAACAGACCAATATGGAGGGTCTCTTGAAAACCGTTGTAGATTT

GCTTTAGAGGTAGTTGAAGCTGTTGTAATGAGATAGGTGGAGACAGAGTGGGGATAAGACTATCGCCGTTT
GCGGATTTTCATGGAGGCTGGAGATTCCGATCCAAAAGCTTTGGGAGTTTAC

>trans_s_2172 AY109678|Zea mays CL18174_1 mRNA sequence

AGCATATAATGTTATTGCATACGAAGATAAACCACGCTTGCAGACTGCCGTAGAGATGTTGAAAACCACACAA
GAAATAGAACGCAGATTGAAAGAAATTTCCCTGCCATTATTGATCCTGCATGGGGAGGCTGATACCGTAACCG
ACCCATCTGTGAGCAAGGTGTTGTACGAGAAAGCGAGCAGTTCAGATAAGAAAATAAACTTTACAAAGATG
CATACCATTCTCTTTAGAAGGTGAACCAGATGAAGTGATACTCGAGGTATTTAATGACATCTTCACTTGGCTG
GATGAGCGCTGCAAGTAACTGTTTCGGTAACCGACTTATCATCGTTTTTAGAGTATGATTTGGTGGGGAAAGG
AAAGGGGCAGAAAAAGGCGTGAAAAAGAGTTCAGAAATTATGCTATGGGCTTTTCAGCGTCAGGAACTGT
GGAAGTAATGCATTATTAATAAACTATGAAATGAACAGGCAGATGCTTTGAAATTAGTCATTGTTTTGTTTAT
GGATTAATAAATCTCAATTCATTGGGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCGAAAAATTTATAAACCCCCCACCCTGGGGGGGGGGGGCCCGG
GCCCCATTCCCCCAAAGGGGGCTAAATACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTAAAAACCCGGGGGGGGGA
AAACCCGGGGTTTTCCCAATTTAAACCTTTGGGAAAAACCCCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAGG
GCCCCCCCCCATCCCCCTCCCAAATTTGCCCCCCTGGAGGGGAAAGGGGACCCCC

>trans_s_2173 XM_002874231|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata rhomboid family protein, mRNA

ATTTGTCCAATTGGCTTATCGCTCTCAAATTCCTCAATGCAGTTTCAGTTGCAGCAGCTGCAGCTTCATGGAGGC
CGAATTTGAAACCTCCAACACTAAGCAACAACCAATGCCTTTAACTTCCATTTCTTCAATCCAGCTTCACC
TTAACCTCACTCAGATTTCCCTCTCCATTCTTCCATTCCCTTCCCAATTTACCCATGTTCTTCTCTCCACTCGCG
TTCCTTTTGTATGAAACCCATCGCGACCTGCAAGATGAACGATGCAGATTTGATATCACAGTTGGAGCTTGGGA
AAACCACTGCAGAATCGGAAAACGGAGAAGCGTGTTAATGGTATATTCTGGATTATTCTTCTCAACATTGGAA
TATATGTGGCTGATCACATTTTTAGGTTTCGTAATATAGGAGCTTTGTACCTGTATCACAATCGTCCCGCTTGGT
ATCAATTTTTTACAGCAACATTTTTGTACGCTAATTGGAACCATCTCTCTAGCAATCTTTTTTCTTGTATATATT
TGGGAAAAGTGTGAAGAAGAGGAAGGAACTTTGCTTTGTGGCTTTCCTATATTCTTACTGGTGTAGGTGCA
AACGTTGTCTCATGGCTAATTTTACCAAGAAATGCTGTTTCAGTTGGAGCTTCTGGTGTCTTTTTGGTTTGT
ACCATAAGTGTCTTGTAAAGATGTCATGGGATTGGAGGAAGATACTTGAAGTCCTTATACTTGGTCAATTCGT
TATAGAGAAGGTCATGGAAGCAGCTCAAGCGTCGACCGCATTGTCGGAAGCTTCCGTGGAGGACATCCATT
GCAGAATGTGAACCATGTTGCACATCTCTCCGGGGCGCTGGTTGGTGTCTTCTGGTATGGCTTCTTAGTAGA
ATTCCTTCTCATCTCTGATCAAGATGCATCAGCTTTG

>trans_s_2174 AY049250|Arabidopsis thaliana AT3g09470/F11F8_4 mRNA, complete cds

ATCAGACAAACACAAAATTTGAGCTCGGTCCACCTTAAGTTAATCGAACTGTAGCCCTTTTGATTGTCTTCA
CTTTCAGCCGGCGATTCTTCAACTTTGACTTCACTCCATTTGGGTTTTCTTTCCCCCTTTTAAAGCGTTTCTAC
GACTGGATCGGCTTGAACGCCGACACGCCATGGATTCTGTTGACGAAGAGGCGCGATTGCTTGTTAATGAC
GCGCCAATTTGAGCTCCAGTGAATTATACGAGAGACGTTTCATGTTTTGAGCTTTGCTTTCTGTTAATTTTCTC
GCTTATGGAGCTGCACAGAACTTGGAGAGTACTGTTAATACTGAGAAGGATTTGGGGACTACTTCGCTGGGG
ATATTGTATTTATCTTTCACATTTTTCTCTGCGGCTTCTTTGGTGGTTCGAGCATTGGGGACTAAGAACGCT
TTGATTCTTGGGACTACTGGTTATTGGTTGTTACAGCCGCAAATTTGAAGCCGACTTGGTTCACAATGGTTCC
AGCTTCTCTTACCTTGGTTTTGCTGCTTCTATAATATGGGTTGCGCAGGGTACATATCTCACTTCAACTGCACG
TAATCATGCAAGAAAGAATGGCTTACATGAAGGAACTGTCATTGGAACTTCAATGGAGAATTTTGGGGAGT
ATTTGCAAGTCACCAGGTCATTGGAAATATTATTTCCCTCGTTGTGCTGAAAGACGAAGCAGGTGGAAGTACC

AATGGCACAACTGTATTGTTCTTATCTTCCTTTGCGTTGTGACCTTAGGTATCGTACTTATGTGGTTCTTAAGA
AAGGAAGACAGTAAAGAAGAAGAACCATCGCTCTCCTCATCCAGCCTACGTTCTTCTATATTGTCTCTGTCAAA
ATCGGGTAGTGCTCCATTGGCTGACAGAAGAATGATTTTGAC

>trans_s_2175 AF141384|*Matricaria chamomilla* serine carboxypeptidase precursor, mRNA,
complete cds

ATCCATTTTCATCTTCAGAGGTTGAAGAAGGAAGAGAGAAATTTGAGAGCCAACAAGAAATGAATGGTTCTATT
TCTCTCTGTATTTTGCTATCCATTTTGATTCTTTCTCCGCCTTCCTCTTGCTGGAATCCTCGATGATCCTCGTCT
TCCGCCTTCCGATTTTCCTTCGCTCAGGCCGAGAAGCTGATCAGAGAGCTCAATTTGTTTCCTAAATCCGATG
CCAATATCATCCATAGGAATATCGAAAATTCCTCTTGATTGCCGCCGAGCGAAGAAAATCGTTGAGAGGCA
GTTGAGATTCCCTCTCTTTGATGATTCTGGGGTTTCCTTGAGGAATTGGGCCATCGTGCTGGATATTACAAGA
TCGAGCATTCTCATGCTGCGAGGTTGTTCTACTTTTTCTCGAGTCCCGGAACAGCAAGTCAGATCCTGTTGTT
ATCTGGTTAACTGGAGGCCCAGGATGCAGTAGTGAATTGGCTATGTTTTACGAAAATGGTCTTTTTAAATTA
CTAATAACTTGTCTCTTGTGGGAATGAATATGGTTGGGATAAGGTATCAAATCTTCTGTATGTAGACCAACCG
GTTGGGACTGGTTTTAGCTATAGTTCTGATAGACAAGATATTCGTCATGATGAAAATGGTGTAGCAATGACC
TTTATGACTTTTTACAGGCTTTCTTTGACGAACATCCTGACCTTGTTGAGAATGACTTCTTCATAACCGGAGAAT
CTTATGCTGGGCATTATATTCTGCTTTGGCTTCTCGGATTCATCAGGGAAACAAAGCTAAAGAAGGAACATCAT
ATAAACCTTAAAGGATTTGCTATTGGCAATGGGCTTACTGATCCTGNCATCCAATACAACTTACCCAGATTAC
GCATTGGACATGGGCATAAATACGAAGTCTCAACATCGTC

>trans_s_2176 NM_180537|*Arabidopsis thaliana* PYR6; cytidylate kinase/ uridylate kinase (PYR6)
mRNA, complete cds

ACGGTCAATCCATTTCTCTCTATTTAACCTCTCACTGCCCTTCCCTTTATTTCCGCGTTTTCCCTCCTCTTCGATC
CTTCTTCAGATCTCTCTTTCCCCCCTTCGCGCGCGCTCCATTTTCAACTATAGTTAGTTCTGTTTAAATCAGT
GTCATGGGGACTGTGTTGATGCTGCTCCAATCAAGGAAACCAATGGAAGTTTAGCTGAGAAGAAGCCTACA
GTTGTCTTTGTTTTGGGTGGACCAGGAAGTGGAAGGGTACTCAATGTGCAAATATTGTCAAACATTTTGGGT
ACACTCACCTTAGTGCTGGAGATCTTCTCCGAGCAGAGATAAAATCTGGCTCAGAGAATGGCACGATGATTCA
AAACATGATCAAAGAAGGGAAGATTGTTCTTCTGAGGTCACCATAAAGCTTCTTCAACGAGCTATAGAGGAA
AGTGGCAACGAGAAATTTCTTATTGATGGATTTCTCGTAATGAGGAAAATCGTGCTGCATTTGAAGCAGTTA
CGGGCATTGAACCATCTGTAGTCCTGTTCTTTGATTGTCCTGAGGAAGAGATGGAGAAGCGCTTGTTGAGTAG
GAATGAGGGAAGAGTGGATGACAACATTGAAACAATTAGGAAGCGATTTAGGGTTTTCTGGAGTCTAGTAT
TCCTGTGATTCAATATTATGAATCCAAAGAGAAAAGTTCGGAAGATTGATGCTGCGAGGCCTGTTGAGGAGGT
GGTCGAATCCGTAAAGCCGTTTTTACTCCAAAAAGTGAAAAGGCTGACTGAGGATAACTGCCCAATAGTTTT
TGCAATTGTATCTTTGAGGTATTGATTTGGTGGCAGCATCAGAGTTGGATGTTTAGGTTCTATTCTATACAAC
AAGGAGTTTAACCATATTCTTATTATTGTTACCGTACCTTTTATTAC

>trans_s_2177 AF402608|*Phaseolus vulgaris* TGA-type basic leucine zipper protein TGA2.1 mRNA,
complete cds

AGATCACAACCGTCAATTGAACGAATTGAGATCGGCTGTAACTCACATGCAAGTGACCCGGAATTGCGTATT
GTTGTGCGATGGCATCTTGGTTCATTATGATGAGCTCTTtaggCTCAAGGGAAATGCAGCAAAGCTGACGTTT
TCCACTTACTATCAGGCATGTGGAAAACACCTGCAGAAAGATGTTTTCTTTGGCTTGGGGGTTTTCGTTCATCC
GAGCTCTTAAAGCTTCTGTAAATCAACTGGAGCCTCTAACAGAGCAGCAGTTGGTGGGAATCACAACTTGC
AGCAATCATCACAGCAGGCAGAAGATGCATTATCACAAAGGGATGGAGGCCTTGCAACAGTCCCTGGCAGAGA
CATTATCGAGTGGAGCTCTTGGTTCCTCTGGTTCGTCAGGGAATGTCGCAAACCTACATGGGTCAAATGGCCAT

GGCCATGGGTAAACTAGGGACCCTCGAGGGCTTTATACGCCAAGCCGACAATCTACGACAACAGACACTTCA
ACAAATGCACCGAATATTGACAACTCGTCAGTCTGCTCGTGCACTTCTCGCCATACACGACTACTTCTCCAGAC
TACGTGCTCTTAGTTGCTCTGGCTTGCTCGTCCCAGAGAGTAAAAGAACTTCTCTGTTTAGTTTAACCAAAAG
CTAGTTTTGGTGACACTGCAGAGACATCAAAGGAGCAGTTACGGTAACACCCATTTTGTATCAATTCATTGGC
AATGCCTGCCTTTCTTCTTGGAACTGAGCTCTGTCAAAAAAATAATTTGTTTGTAATTTGGTGTTTTAGGTGTT
CTTGTTACATCTGTATAAATATTGATACAACTAACTCAAACCTCCATTGTTTCTCAAGTAAATTAATAATAGTT
CTATAAAACCAGCCTAATGAACTATGTGACAACTTTCTATTCGGAAA

>trans_s_2178 NM_001051997|Oryza sativa Japonica Group Os01g0959900 (Os01g0959900)
mRNA, complete cds

ATGCTGCAGCTATTTTGTGTTGTCAATATGTGTGGTTTGGTTTATCATTTTAGCGTTATCTCTGTTCAACTACTC
GTTGAGTGAGTGAGCGACATTTCCATAGCTCACAGGCTAAAATTTCTACCTCTCTCTTTCCTTTTTCCGCCATG
GTTTTCTCTGCATCTCTTCTCACAACCTCTTCTCATGCCTAACTCAATTCCCAGAAAATTTTAGAAGAAATCCAC
TTCGTGTTACCTTATTCGAGCTGTGAAATCCACTGAACCGGAGAAGAAGGTGCCAGAGACCAAAACCCAGG
AGCCTCCCGTGGCTGAACCTTCAAGTTCAAGCTCCCCACCGCCTCTCCAAGGTTCAAAGAAGCCTGTCTAT
TCGATGAAGAAGGGTCAGATTGTGAGAGTTGACAAAGAGAAGTATCTTAATAGCGTTAATTATCTATCTGTTG
GACATCCACCTTATTTCAAGGGCTTGGACTACATTTATGAAGACCGTGGTGAGGTATTGGATCTTCGCATTTTC
GAAACAGGAGAATATGCACTTATTGCATGGGTTGGCATTCCGACTGCTCCAGCTTGGCTGCCGACAGAAATGC
TTATAAAGTCGGAGAACTCAACTACGAAAGACTCTAAATCACAGCTTTGATGAACGATGCTCACTTGATGGT
TTATAGGTTCCACTTTTCTCCATGACTCTGTAAAGATGTGTAGTTATTTCAAATACATTAATAATTCATCGCAA
GCCTTTTGCAACCTTGATGCTTCTGTTGATATTTAACATCAAATTATGTGTTAGTACAACGAAAAGAAAAATGT
TTTTATGAAGAATGATAATGTATATAAGAAGAGATGGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2179 BT025531|Arabidopsis thaliana At5g17560 mRNA, complete cds

AACATTGGAACAAATTTCACTCCGTCGAACTTTCGGCAGACTCGGACCATACATCGGCACGGGAAAGCAAACA
AGAAAGATAGAGCAAAACCGATCAAGTAGAGCAGTTCCATCGATTAGCTGCGCCCAAGACTTTGATGACGA
TGATTAAGGTTCTCAACTCGCGTCCGTCGGGTTCTTCCAATGCTTCTTCCCCGCAACCAACCTTTTTCGGTTG
TCTCCCGCCAAATCACTTCCAACCTGTGTCTGCACCGCCGCGTGTGCGCCGTAATTACCTCCAAATCCAACCCG
GCCTCCGTAGTAAGAGCAGTAACGTTGTGAAGTATAGCCGTGCTAATGGAACATTTCCAAATGGGGTTCGA
GTCGGAACCTCGAGCATTAGAGCCACTCAAGTGAATGAATCTGGATCTATTGATTCCCCGCTCATGCAGTCAAT
GGAGAACAAGATTAAGGAACAACTAGATGCACAATCTGTCTCGGTAAAAGATGCTTATGGGGATGGACGACA
TGTTAGCATTGATGTTGTTTCTTCAGCCTTTGAGGGACAGACGGCTGTGAATAGGCAGAGGATGGTGTACAAA
GCTATTTGGGAGGAGCTACAAAGCACAGTACATGCAGTTGATCAAATGACCACCAGAACACCTGCGGAAGCA
GCAGCTCAGAATTCATAACTCTCAAAGTTTGTCCAAACCTTCTGTCTTTGCCAATAAATGTCTTGCAAAAAAGT
GTGCTCATATTATTTCTTTTCACCTGTTGATTAATGGTAAAAGTCTTTATCTTTGATCTTACATAGTTACATTCAT
ATGATGGTCAAGGACTCAGCCTGCCTTTTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2180 NM_001049633|Oryza sativa Japonica Group Os01g0384800 (Os01g0384800)
mRNA, complete cds

AGGGGAGATGGAGGGAAGATCTGGGCTCAAGATCTGGTGAAGAACTCATGCGTCGAGCCGAAGCAAACGCC
TCAGATCTCTGGTAGCCGAGTCGTCAACGATGGTGGATACGTGTTTCTTCTCGAAAACGATGGTAATGGAAG
AGAACTAGGAGACGGCGACATCGAAAACGCCGATCCGGCGTACACATCGGCTTTTCCGGCTATCGGACACCT

CACGTCGACGATCCGGATTTGTTTCGCAACCGTTTCCGGGCAAACACCCAACCTATCGGTTCCACACACGACAA
TATTATCACCTTCCTTCTTCAGTGCTTCGCTCTTGATCTTCGAATCAAGAGATTCACCTCGCCTCAAGATCGTAA
CCTTTTCCATCACCAAATATTTTTCATCGCCTTCAAATCGTCGGAACTCGATCTCTTTGAGACCGACGGCTCTG
AATGATTTCGGAAAAATCTCTCCGCTGCTCCGGCCGCTCCGAACGAGCCACCGACTTCCTGTAGATCTAGG
ATTATAGTTGTTACAAATATTGGAATCATAGTTTCCATAAGAACTCCTCCGACGACAAAACGCTGCCGGTGG
ACTCTGATCCTTTCGATCAAACAATCCTGAGGTCTTAAATCTCAGTCCCCATGAATGAAAGAAGACAAAATCC
CTAAGAAATCTTCAAAAAAATACAAACAAAAAGAAAAAAAATGGTTTCAAAAACCAAAAGATCAAACGCTA
CGGGGCTGATGAGTTCCTTTTCTCTGAACTAAGAGCTTTAACCCTCGCTTCTTCTCCACACAGAGGAACAACA
GCAACAACAAGACGGGAAAGATGAAGAAGAAGGGTATTAGCGTCTTTTCAACTTTTCTTTTCTCTATTTTTT
TTCCCGGATTCCCTCTTGTATTCTGCTCTGCAAGGCTTTGTTT

>trans_s_2181 AF248055|Glycine max proline-rich protein mRNA, complete cds

CTGATTTTTTAATTTTTTATTTGTTTCGCTTTATGTTATAATTCCTCAAAGAATTATTTGATGGACCAAAAAAAAA
AATCCTCCTTACAGTTTCCCCACAAGCATCCAAAGATTCCATTAAATGCATTTTCATCGTCTTCTACAACCCTC
AATCTTCGAACCTGTTTAAATAAACCCCTCGTTATCCTTCCCATTACTCCATCTCTATAAACTCAAATTTCATA
TCACTTCCTTCTTAAATGGCTTCCAAATCTTTTCTTTACCAACCATTCTGTTGCTCTCTCTCTCTTTGCTCAG
CTCTGGCCACCCCATGCGACCAACCCAAAACCAAGCCAGCACCGTCAGTGCCCAAGAAAAAACCCGCCATCCC
CAAAATAATCCGGCCACCGGCGGCATCTTCTCCGGCAGTACAATCGAGTTACTGTCCAAAAGACACCTTGAAG
TTGGGCGTTTGTGCCGATATTCTTGGAATTGGGAGTGTCGAATTGGGAGCCCTGTTTCGAACGAGTGCTGTG
CTCTTCTAGTGGGCTGACAGATGTTGAAGCTGCTGCTTGTCTTTGTACCGCCATTAAAGCCAATGTTCTTGGA
ATTAAGTTGGATATCCCTGTTTCACTCAGTTTGCTCATCAGCTCTTGCCAAAAAATCTTCCCGCTGGCTACCAG
TGTAATGATCAAAGTTTGGTTTTGTTAATGGGGTTTCTTTGTTTTGGTTGGTATTTAAGTTCTGTGTGGGTC
AAATAAACCTTTGCCTTAATTCGGGTGAGCTTTGTTTTCTGTCAATCATCATTAGTAATTACTCTCTAGCA
AGTGTTATATATTATTAATTTACCCTGTGATTTGTGTTATTCGTTTCATTTGTCTTTGATGTAATTTTTTCTCT
AAATATGCCTACTAGTTTTCCAACAAA

>trans_s_2182 GU732431|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D7) mRNA,
complete cds

AGCAAATCAGAATTTCCCAATTCTCTTACAATCTAATTTCAAATTTACACACACAAAACTTCTATTCAATGGA
TTGGTTCGCTCAATTTTCTGACCCACTTCCTTATTACCCCAATTGTAGTTACAAATCTGAATCCTCTTCTACTCTT
CCGACGCCGGAACACCTCCTCAAACAGTGGTTAACTCCGACGAAGAAGTTATTCTCGCCTCAACCGCCCAAA
GCGCCGTGCCGTCGCCGAATTTTAAAGAACTAGACATCCGGTTTACAGAGGAGTCCGGCAGAGGAATAA
CGACAAATGGGTTTGTGAGCTGAGAGAGCCGAATAAAAAGACGAGGATTTGGCTCGGGACATACCCAACGG
CGGAGATGGCAGCTCGTGACACGACATAGCGGCACTAGCGTTAAGAGGGAAATCCGCTTGCTAAATTTCTG
CTGACTCTGCTTGGCGGTTTCCAATTCCGGCGAGTGATGACCCGGCTGTGATTAGAGAGGCGGCTGTGAGGG
CGGCGAATGAGGGTAGAGATGAGGAATGTAATGTGGGTGCGGAAGAGGATGACGGCGGTTTCAATCAGCA
GGAGGCGTATCCTGACCGGACGATTATGTGGACGATGAGACTATGTCGAATATGCCAATGTTGCTTGCCAA
CATGGCGGAAGGACTACTTCTTCTCTCCATCTTTTTGTGTCAATGAAGACGTGGAGTGGGATGATGTGGCA
ACGAATGACGATGTGTCAATTGTGGAGCTTTTAGAAATAGTTATAGCGACTAGTGATTGAGCACCTGCTGCCT
GCCAACAAAGCAACCAGACTTTTGTTCGAGGAAGTCAACCTATATATAATTCCATTTTTCTTTTCAAAATGGAC
CCTATCGAATTAAAGTTGAACTAAATATTGCATTAAAGACCAAAAAAAAAA

>trans_s_2183 NM_129569|Arabidopsis thaliana yippee family protein (AT2G40110) mRNA,
complete cds

ACTTAAAAAGATCATCCAATATTCATAGACGGGGACAACGAAGTTTCATGAATAATATAGCGAACCATTTTGA
TTTTGACCCAACCTCCTTCATCATCTTCATCCCTCTCCATCCCCAAACCTTTTTCTTTCTTTCTAATTTGATTTCAA
AACCTTTCTCTATTCACAACAAAAGGGGCTCTACATTGCAATCAACTTGAGAAGTGGGCTTCTTTGCAAAACAT
AATTTGTGAGAAGCTTAAGATTCAAAGCTATGGGAAGATTGTTCTGTTGGAAGGGCAGATCTACA
GCTGCAAGTTCTGCCGGACCCATCTTGCTCTTTACGAAGATATCATTTCTAAGTCCTTCCACAGCAGACATGGG
AAAGCTTACCTCTTCAATAAGGTGGTAAATGTTTGCTGGGTAAAGATAGAAGAGAGATTGATGATGACAGGG
ATGCATACAGTTGCTGATATCTTCTGTGTGGGTGTGGATCAATGGTGGGATGGAAATATGACACTGCCCATG
AAAAGAACCAAAAATACAAGGAGGGAAAATCTGTACTTGAAAGGTTCAAGGTTTTGGGACCTGATGAAAGCA
GTCCTGGGGGGTCAGTCATGAAGCAGATGCAGGTGGAAGTGAAGGAGATGATGTTTGATTTCTGCATTAC
TCAACTGTAAATTCTGTAAAACCTAAAAATTTCTAGTTTGAAGTTGATTCTAACGATGTTGATACTTGTACA
TCGTTTCTCCCACTAAAAATTCTTAATGTTTCATGTTGGGATGAGAATGAACAATAATTGTTGTATCTCCTAAA
TAATGTTGTAATGTTTAAATTACTTTGTCGTAGAAAGCATATTTGTAAAGGTTTATTTAGTAAAGAGATTGA
ACAGCATAGTTCGTAGTTATTAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2184 NM_103560|Arabidopsis thaliana ChaC-like family protein (AT1G44790) mRNA,
complete cds

CTTTACCAATTGGAAAAAAGCTCGCCTCTGGCCCCGCATTTTCCCTCCGCATTGGAGCGGAAATAGGACTGA
ACACACGCCGGAAAATTGCGGACGTTCTAAGAAAAGTCAGACCAAAAATGGTGATGTGGGTATTTCGGGTACG
GCTCTCTTATTTGGAAAACCTGGATTTCCTTTTGACCAAAAATTACCTGGCTGTATCAAAGGCTACCGCCGTGTC
TTCTATCAAGGAAGTACTGATCATAGAGGAACCTCTGAATTTCTGGAAGAACTGTGACATTGGAGGCTGCGG
AAGGGGAAGTTTGTTGGGGTGTGCTTACAAGATCACCAAAAAGGAGGATAAAGAACTGCATTAAATCATT
TGGAAGTGAGGGAGAAACAATATGATAGGAAAGAATATGTCGATTTTTTACCGACCCCTTGATACCACCCC
TATTGTTTCTGGAGTAATGGTGTATGTTGCATCTCCAGACAAGAAGCTAAACAAGAATTACCTTGGCCCTGCAT
CTATCGAGGAGATTGCCAACAGGTAGTTCATGCGGAAGGGCCCTCAGGACCAACAAGGACTATATTTTTCA
ACTCGAAAAGGCTCTTCTTCAGTTTGGATGGTATGATAAACATGTAAACGATCTAGCAAATGAAGTTAGAAGC
CTTCTTTCAGATGGGAAGCTGACTGCTGCTTAGCGTTCAACATCGAACTTAAAGCCCTGGAAGTAGTATTGCTA
GCCTCTTTCCTATCATCGTCAAGTGATATTTAGTCCCACTGGAGGGTGTGTTAGATGCATCTTATTCAATTATTG
TTGCCTCCAATGGCAAGTAAAGGTGGAATTTTCTTAATGTTAAGTATTTAAGATTGTCTTAAACGCTGAATTA
TTAAGTTGAAAACCTTATCTCAGCAGATGCGCAATTATGCTATGCTG

>trans_s_2185 NM_129701|Arabidopsis thaliana embryo-abundant protein-related (AT2G41380)
mRNA, complete cds

AAGCAAAGCAATTTTCAAAGAAACACAGAAAAACAGAGAGACAATGGCAAAGCTGTTCAAAAACAAGCCAA
GAATTATGCAGAAGGAAGACCCAGTTATCCATCCAAGTTGTTTGAATACATTACTTCCAAAACCTCCCTTCCACG
ACCTCGTTTGGGACGTCGGCACCGGCACCGGCCAAGCTGCTCAATCTCTTGACGACACTACACCACCGTGAT
CGCCACTGACACGAGCCCAAAACAGCTTGAGTATGCAACCAAACCTCCCAATGTTCACTACCGCCAAACCCCAT
CGACAAATGTCCATCGAGGAAGTCGAGAAAATGGTGGCACCACCGGGGACTGTCGACTTAGTCACTGTGGCAC
AAGCCCTCCATTGGTTCAACCTCCCATCTTTCTATCAAACGTACGATGCGTCTTGAAGAAACCTCACGGCATC
ATTGCGGCCTGGTGCTACTCATTGCCCGAAGTCAATAATGCCATCGACACTGTCCTCCGCCGCATCTACAAAAC
AGATTTTGGGCCGTATTGGGATGCACCAAGGAGGTTGGTGGATGAAGAGTATAAAACGATTGAATTTCCATT
CGAGGCGGTGGATGGGGAGGAGCCGATAACGGAGTTTGCAGCAGAGAAGGAGATGGAGTTTGAGGAGTAT
TTGATATTTAAGGTCTTGGTCATCATATCAAACAGCCAAAGATTTGGGAATAGAGCTTCTAAGTAATGAAGTG
GTTGAAGAGCTTGAGAGGGCTTGAATGAAGATGGGGTTAAGGGTAAAAAAGTGGCCAAATTTCCAATCCAT

TTGAAGATAGGGAGAGTGGGAACAATAACTAATCAAAACAGAGATTTAGTGTGTGGAGTATGCTGAAACTA
TATTGTTAAATATTTTCCCATTTTTTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2186 NM_125517|Arabidopsis thaliana protein binding (AT5G61240) mRNA, complete cds

AACAGCGCCTTTCCGCGTTCGAGAAGAAGTTCTTAGTGAAACAAACGATAACTGGAGCTTCTGTCTGAAGCG
CTCAAGTTCTTGAATTGGCTTTCTTCACTCAGATCTATCGATTCAACATCGATTTTCAATTTCTGCATTTTGAAT
TCCATTAACTTCTGAAGTTAAGGAACTCACAGATCTGAAACAATGGCGCGGCGACTTCACTGCCGGCGTTTT
GTTTATTCTTCTGTCAATCTCTCTGTTGAACGATCTTATTCTCTGTAAACCCTAAAACGTGATGTGAAAGCAT
TGAATGAGATCAAGGCTTCTTGGCTGGAGAGTGGTGTATTCTTGGGTGGTGATGATCCGTGTGGCGATG
GTGATCTGCCTCCTTGGTCTGGTGTCACTTGTACTACTCAAGGAGATTATAGAGTGGTTACTAAATTGGAAGTT
TATGCTGTTTCGATCGTTGGCCGTTTCCCACTGCTGTAACCAATCTTGGATCTTACGAGACTGGACTTCCAC
AATAACAAGTTGACTGGACCAATTCCTCCTCAGATTGGAAGATTGAAGCGTCTTCAGATACTTAACCTGAGGT
GGAATAAGCTGCAGGATGTCATACCTTCTGAAATAGGTGAACTCAAGAGTTTGACTCATTTATATTTGAGCTTC
AATAATTTCAAGGGAGAAATTCCAAGGGAGCTTGCTAGTCTTCCGGAGCTTCGCTATCTACACCTACAACAAA
ATCGTTTCATTGGACGAATTCCTCCTGAATTGGGCAACCTGCAACATCTTCGCCACTTGGATGTTGGTAACATC
ACTTGGTTGGCACCATAAGGAACTCATACGCTTGATGGCTGCTTCAATCTCTTCGCAACTATATCTTAATGA
TAATATTTTACTGGGGGCGTTCCTGCGCAACTTGCAAATT

>trans_s_2187 XM_002880238|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADP-ribosylation factor A1E
(ATARFA1E), mRNA

GTGAAGGACAGCTTCTCCCTTGTGTTCAAGAGAGAGAGATCTATCATCCTTATTTGGGGCCGATCTCTCTATTC
TCCTCTCTTCTATTCTTTACTTGAAAAATGGGGCTGTCTTTACCAAGCTTTTCAGCCGGCTCTTGGCCAAGAA
GGAGATGCGTATTCTCATGGTGGGTCTTGACGCAGCTGGTAAGACGACAATTCTTTACAAGCTCAAGTTGGGA
GAAATTGTCACCACAATTCCTACCATCGGTTTTAATGTTGAGACTGTGGAATACAAGAACATCAGCTTCACTGT
CTGGGATGTGGGGGGCCAAGACAAGATCCGACCATTGTGGAGGCATTATTTCCAAAACACCCAAGGACTTAT
TTTTGTGGTGGATAGCAATGACAGAGACCGTGTTGTGCAAGCTAGGGATGAGCTGCACAGAATGTTGAATGA
GGACGAGCTGAGGGATGCTGTGCTTTTGGTATTTGCCAACAAGCAAGATCTTCCTAATGCCATGAATGCTGCT
GAGATCACCGACAAGCTTGGTCTTCACTCCCTCCGACAACGTCACTGGTACATCCAGAGCACATGTGCCACATC
CGGTGAAGGGCTGTATGAAGGACTTGACTGGCTCTCAAACAATATTGCCAACAAGGCGTAGATGGGGGTTTC
TTTTAAGCAGGGATTGCTTCTGAAAAATCAAATTGATGTGATTTATCCCTTGTTTACGGGCATTTTTGTTGGATT
ACCTGATCTATACGACGTTCTTAATGGATGATTCCTAGGTTGGGTGTTGGATCTATGAATAATGAAAGAAATTT
TGAAGTATTTTGTGATGTTATCGNACTCATAGCATTGTTTTCTTTCTTTCTTTTTCTTTTTTTTTCTTTT
TTATAAATTTTATTGTAATGAATTAATGATGCTCTTAAA

>trans_s_2188 AY045615|Arabidopsis thaliana At1g68660/F24J5_4 mRNA, complete cds

TCTTTCCTCCTTCGTCCAGTAAAAACCAATCACTCCACTTCGCTTGTCCGAGCGAAATTTTAAATCCTTAGAAA
AATCAGACAAATTATTTTCCATCGGAGCTGATTTTCCGTTCCAGATAGAAAGGAGAAGAAGTCATGGAGATTG
CGATTTGTGGGAAATTAGCTGTCTACCCAATCATGTCTTCAACCCCAAACCAGTTTAATTTACGGGGACAGAA
GCTCTATGTGTAAAGGGTTATGCTTTAACTTTGGTGCCTCGGTTGTTAAATCAGCAGCAACAGCAGGAAGAGG
AGGAGGGTTGTTGGAGAGACCTGTTATTGAGAAAGCAACTCCTGGAAGGGAATCAGAGTTTGATATGAGGA
GATCAAGGAAAATGACACCACCTTATCGTGTCAATTTGCATAACGACGACTTCAATTAACGATAATACGTAGTT
CAAGTACTCATGAAAGTCATCCCGGGAATGACGCTTGACAATGCAGTTAACATCATGCAAGAAGCTCACTACA
ATGGCTTGCTACTGGTAATCATCTGTGCTCAGGCTGATGCTGAAGAACACTGCATGCAACTTAGAGGCAACGG
GCTGTTAAGTTCAATTGAACCTGCTAGTGGTGGATGCTGTTAAGACCTTCTTCATTGGAATATACATTCATGT

GTTCAAGCTTGTCTTCATAACTGAAAGGATGAAGATGGGTTGGCATTAAAAAAGAGAGGAAAGAAATGAAGA
AGGAAGAAGAAAGGAAACTGGTATGTAAGTAGAGTATTGGAGCTCCTTTGATATTTTGTGTTTTGAGAGTA
GAAAACTTTGCTTTGTCTTCCTTCTTTGATTATTTTAATTGTGTTTCTTTAACATAAAAAGGTACGTGCAGGA
GAATTGTATAGGAAAACCTTCCCCAAAGGTTGATGATAATATAACAT

>trans_s_2189 AY247272|Medicago truncatula AKIN beta2 mRNA, complete cds

CGGATGAAATGCTCATACATGCCCACTCCCAAATGCAAAGTTCCTTGGGTTTTGAAGATACATGCAATGAACA
AAGCATTCCAACCATGATTACATGGAGTTATGGTGGCAAGGAAGTTGCTATCGAGGGATCATGGCATCATTG
GAGAACAAGAATGCCCTTGCAAAGATCGGGGAAAGACTTCACTTTAATGAAAGTGCTTCTGCTGGGGTTTTAT
CAATATAGGTTTTTTGTAAAAGGACAATGGAGGTATGCTCCAAAGTTGCCTTGGGCCCAACACGACAGTGGCA
ATGCTTATAATGTTTTGGACTTGCAGGATAACGTGCCTGAAGATATTGAAAGCATCTCTAGCTTTGAACCTCCT
CAGTCACCAGACTCAAGCTATGACAATCTACTACTTGGGTCTGATGACTATGCCAAACAACCACCATGATTCC
CCCACACCTACAGAGGACACTGCTTAATTTACCGTCAACATACATGGAGATTCCAACCTGTCTGTCAAGGCCA
CAACATGTAGTGCTGAATCATCTATACATGCAGAGAGGGAAAGGTGGTCCATCTGTTGTGGCACTTGGTACAA
CACATCGGTTTCTGTCCAAGTATGTAAGTGTGTGCTCTACAAATCTTTCCAGAGGTAAATCTTTACCTATCGA
ATGAACTCTTCTATTCTGGGTTTTCTGTAACCATAAATGTGGAAGTGCCAATGCCAAGTTAGTGGATAAATTAG
TTGAGGAAGATGAAATATTTGGCAAACCAAGTTGTGCTTCAGATAGGGAAATTCTTTCACAAACCTCCAGAC
CCACCATGCCATATTGGTATGATTTGTTATCCTCCACTTGACACTCATTTTAGAAAGATTGGTTTAATGATTTA
ACAAGTCCGGGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2190 EU274649|Panax quinquefolius 60S ribosomal protein L6-like protein mRNA,
complete cds

AAAGCAGAGAGGAGACGAGGCAGCCAAGTTCTGAGAAATTCATCCATGGCTCCGAAGACAGCAAGAGTTAG
CCGAAACCCCGATCTCATTGAGGGGTTGGCAAATACTCGAGGTCCAAGATGTACCACAAGCGAGGTCTCTG
GGCAATCAAGGCCAAAAATGGAGGTGTCTTCCCTCGCCACGATGCCAAGCCTAAGCCCCGAAGCTCCAGCTGA
AAAGCCGCCGAAATTTTACCCTGCCGACGATGTTAAGAAACCCCTTGTAACAAACGCAAAGCTAAGCCTACC
AAACTTAGGGCTAGTATTACTCCTGGAAGTGTGCTTATCATTCTTACTGGAAGTTCAAGGGAAAGAGAGTTG
TGTTCTTGAAGCAACTTCCGTCTGGGTTGCTTTTAGTGACTGGTCCGTTCAAAGTCAATGGCGTTCCTTTGAGA
CGTGTGAATCAGTCATACGTGATTGCAACCTCCACCAAGGTGGACATTACAGGAGTTAACGTGGAGAAGTTTG
ATGACAAATATTTCTCAAGGAAGTTCAAAAGAAGAAAAAGAAGGGAGAAGGAGAATTTTTTGAGGCAGAG
AAGGAGGAAAAAAGTGCACCTCCACAAGACAAAAAAGATGATCAGAAGACCGTGGACTCAGCTCTGCTGAA
GTCCATCGAGGCAGTCTCAGACTTAAGACCTACTTAGCTGCAAGGTTTTCTCTAAAGGCAGGCATGAAACCA
CATGAACCTGTTTTCTAAACATTTCTCTCTTGGGTGCTGAAACTTCTCTTATTGAAGTTGATCCCTACAATCTTCT
TGTTTCATGTTCTGTTACAAGGATTCTAGATTTGAAGTTTTGTGTCTCAGACGAATTTTGAGTGAACCTTTATTC
ATCAATTTTTGCATTTATGTACCTTCCTTTGACTACTGATAGTAAAAAAAAT

>trans_s_2191 NM_001057310|Oryza sativa Japonica Group Os03g0647800 (Os03g0647800)
mRNA, partial cds

GACAACTTCGGTGCCGGTTTTCTTCTTCGGCAGAAGGTTCCATTCGACCATGGCGATTTCTATCCCTCACCG
GCGTCTGCCGTGCTGATTCTGTTGGTTACAGCGGTGCTCGTCGAAGCTGGCGACAACAACCGAGTTTTCTCAC
CTTGCACTGACACAACCTGTTGAAACTCCGACGGCTTCACCTTAGGGTTTGCTTTGCGACGCAGCAGAAGTTT
TTCTTCAACAAAACATTGCAGTTGTCTCCTTGCATAGCAGGCTCGGTCTTACGAATGGAAATTCTCTGATCTC
TGTGTTTAGACCTAAGGTTGATGAGATCTCCTCCTCACCGTCAACACTTCTCGCTCTGTGTCTCCTTCGATCC
GTCTTCAAATGGCTATATGGTTGCATTTGCTGGCCGGAAATATGCTGCAAGGTCCCCTCCAATTTTTGTGCGAG

ATCAACAGCATATCGTAACCAGCTTTACTCTGGTGCTTGAGTTTGAAAAAGGAAGGCTGCAAACTTGTTCTG
GAAAAGGGACGGTTGCGCTCAATGTTCAAACAACAATACCTTTGTTTGCATCCACAATCAGGATTGCGCAATC
AGAACAACAGCTGCAAAAACAATGGTGGTTCTGTGATTGTAGTCTCGCAATTCAGTTAGCATTCTCCGGCA
CAGATAAGCACCTTTCTGTCTTCAACTCTTGGTATGAAGTGTGAGACTTCGTCACTACTCACTCTTCAATCTGT
ATTCGAACCTCAAAGATTCTCTCACAAGTCAGTATAACAAGATTTTCTAATAGACCATATTTCTGTTGATGTATA
TTGTCATGATTTCCATCATTGTATGCTATAATTCAGTTTGTGCAACAAAATCGTTTGAAATCCTCTTCATTCTCA
TTAATTAATGTGTAAACAATAGGTTTGGGACGACT

>trans_s_2192 NM_001061367 | *Oryza sativa* Japonica Group Os05g0186300 (Os05g0186300)
mRNA, complete cds

CCGGGTCTGTTGCTAGTGGTTATTCTTTATTGCGTGATCCGATCTACAACAAAGGCCTTGCCTTTAGTGAAAAA
GAAAGAGATGCTCATTACTTGCCTGGCTTGTGTCACAGCACTTCTTGATCAAGAGCTTCAGGAAAGGAGGA
TGATGCATAATCTTCGCAACTATGAAGTTCATTACACAGATATATTGCGATGATGGATCTTCAGGAGAGAAA
TGAAAGGCTGTTCTACAAGCTTCTCATTGATAATGTTGAAGAACTGCTTCCAGTTGTGTACACTCCTACCGTAG
GCGAAGCTTGCCAGAAGTATGGGAGCATTATAGACGACCTCAAGGCCTTTTCATCAGTTTGAAAGAGAAGG
GCAAAATTCTTGAAGTTTTGAAGAACTGGCCAGAAAGGAACATTCAAGTTATTGTTGTTACCGACGGTGAGCG
GATTCTAGGCCTTGGGGATCTTGATGCCAGGGCATGGGGATTCTGTGGGGAACTTTCTTTATATACAGCA
CTTGGAGGAATTCGACCCTCAGCTTGCTTGCCTATAACCATTGATGTTGGTACAAACAATGAGCAGCTTCTAAA
TGATGAGTTTTACATTGGCCTTCGGCAGAAACGGGCCAGAGGACAGGAATACATGGAACCTTTAGATGAGTT
CATGTATGCAGTAAAGAAGAACTATGGAGAGAAAGTCCTTATACAGTTTGAAGATTTTGCAAACCAACAATGCA
TTCGAGTTGCTTTCAAGATATAGCTCGTCACACCTTGTGTTCAACGACGACATTCAAGGTACAGCATCTGTCTG
CGTAGCAGGACTACTTGCAGCTCTTAACTTGTGGAGGGACATTAGCTGACCACACTTTCTATTCTTGGAG
CTGGAGAGGCTGGAACCTGGTATAGCTGAGCTTATTGCTTGGAGATC

>trans_s_2193 NM_180604 | *Arabidopsis thaliana* Got1-like family protein (AT1G05785) mRNA,
complete cds

GAACGAAACACGTCTCACGTGCGAACAGGTTCTTCCAACAACCATGTCCGACCATCACCAGGCAAAATCCTTTC
GATGTTATTTGAAATTAGTAGAAGCACTTTCATATATATCAAAACAATTGGGAATTGGAATTTAGGGTTCTGT
TACAGCACATCTCGACGTCTAGCTATGAATTTCAATTGGGCAATTGGACGAATCTGATCTACTAATGTCCCAAA
CTCTCAACCAACCCATCTAGGAGCTCAACTCTGTCCCACTCAAGGAACCATGCTCAGTTTTGAACTATCGCTA
TTACTCATTAGTCTTGGGGAATTCGTGCAGTTAAGAAGTTCCATTTATTTCTGGTACTTCTCTGTGTGACTGCCT
ATTTGAGTTGACCAAGTCAACACAATGGCCTATGAATTGACTGAGCAAAAACGAGTTGGACTTGGGCTGATTG
GTTTTGGCTTCTTTTTCACGTTTTTGGCTGTAATCCTTTTCTTTGACAGGGGATTGCTTGCTTTAGGAAATATATT
TTGGTTAATCGGAGTGGCACTTTTACTTGGTTGGCATTCTACATGGAACCTATTTACCAGTCGAGCAAAATTACA
AGGGTTCTGCATCATTTCTTCTCGGCCTCTTCTTCATTTTGTTCGCTGGCCATAATTGGCATACTTTTGGAGAT
CTGTGGCTGTTTTGTTCTCTTTGGTGGTTTTTGGCCCTCAATTAAAGGATTTTGTACCAGATTCCAGTTCTTGG
ATGGATTCTTCATACCCCATCGTGATTCTCGAAAGTCTGTGGAGAGGCTCTGGGTGATCACTTCAAATTTGTT
AACTTATNGTCAAATGATAGTTGACACCACACCAAATTGATCACATGTAGATTTTCATCTTCAGAAGCTTTGAAT
GGAATATCTGAAAGGTAGTACATGGATTCTTTG

>trans_s_2194 DQ150259 | *Vitis pseudoreticulata* aldehyde dehydrogenase (ALDH2b) mRNA,
complete cds

TTGTGAGGCGTAAGATGTTGATAAGGCTGTGGAGCTTGCTCATTTTGCTCTTTTTTCAATCAGGGGCAATGTT
GTTGTGCTGGGTCTCGTACCTTTGTGCACGAGCGCGTATACGAAGAATTTGTCGAAAAGTCGAAGGCACGTGC

CCAAAGACGTGTTGTTGGTGACCCTTTCAAGAAGGGCGTTGAACAGGGTCCTCAGATTGACTTGGAGCAATTC
GAAAAAGTCCTAAGATATATCAAATCTGGCATTGAAAGCAACGCTACTTTGGAATGTGGGGGTGGTAGACTT
GGGTCCAAGGGATACTTCATCGAGCCAACAGTTTTCTCAAATGTTAAGGACGATATGTTGATAGCAAAGGATG
AAATCTTTGGTCCAGTACAATCCATCTTGAAATTCAGGACATTGATGAAGTAATTCATAGGGCAAACCTCAACT
CGTTACGGTCTAGCATCAGGAGTTTTCACTTCGAACATCGACACAGCCAACACACTAACACGAGGGTTGAGAA
CGGGGACCGTGTGGGTCAATTGCTTCGACATATTCGATGCCGCGATACCATTGGCGGGTATAAGATGAGTG
GAATAGGAAGGGGAGAAGGGGAATTTACAGCCTCCAAAACCTACTTACAAGTGAAGGCTGTTGTTACACCTCTCA
AGAATCCAGCATGGTTGTGAGAATCTACCAATGCAGGTGAAGTACAAAATGTTTTACTTTGCAAATCACT
TTCTTTTTCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTCAAGAATAAAACAGGACCTTGCTTCTGTTGTTGTAGAAAAGTTG
AAACCTTTATAATAATGTCTACCTCTTAATATGTGATTCTGAGCTATCCATTTTTGGATGATTGATTGAACATC
AACTTTTCCTAATGGATAAAAAAGATACCATTGAGTGTTTTATT

>trans_s_2195 XM_002869159|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata carbonic anhydrase family protein,
mRNA

TTCCAGATCCCATCTTCTTCTTGATTGATTTTACACTCGTTTTCAGGGCTTTGTGAAAACTCCTTTTTCATTTAC
AGGTAGATCTCTGCCATGGACATTGCTCTTCTGGTCTTCAGTTTTCACTCCCTATTTCTCTTCTCTCTCCTC
TCACCAGCGCCAGAGGAGCTTCTTCAAGACCTCAGATATCTTTGAGATTAAGCTGAAAACAAGAAAAATGGAG
CATACCCATTTGAAATTGTCCACCACTGTAACTGCTGCTCTGGGCTCACTCAGGAAGTTGAAAATAACAAAGT
CAATGTTGTAATAGAAACAGAAAAGAGGCACGACATATTTGAGGAAATCAAACATCGATTTTTGAGCTTTAAA
AGGAATACATATATGAAAAATTTAGAACATTTTCAGCGTCTTTCTGATGCTCAATCTCCAAATTTTTTGGTGATT
TCTTGTGCAGATTCTAGAGTTTGTCCCTCAAACGTTTTGGGTTTCCAACCTGGAGAAGCATTCTTGTTGAAAT
ATAGCAAACCTTGGTTATACCTTTTGAGAACGGACCATCAGAAACACAAGCTGCACTGCAGTTTTCTGTAAACAC
GCTCGAAGTTGAAAACATTTTCGTCATTGGTCATAGCTGTTGTGGAGGCATTTCGTGCACTTATGAGCATGCAA
GATGAAAAACCGAGCTGTTTCATCACAATTGGGTTATTAATGGGAAAAGTGCAAAAATAAGGACAAAAGCT
GCTGCTTCCACTCTCACTTTGATCAGCAATGCAAACGCTGTGAGAAGGAATCGCTCAATAATTCATTGCTGAA
CTTGCTGACATACCCTTGATTGAAGAAAAGGTGAAGAAAAGTAATCTTCCATTCATGGTGGGTACTACGAC
TTTGTGCAATGTACGTTTCGAGAAATGGACTCTGGAT

>trans_s_2196 NM_001067154|Oryza sativa Japonica Group Os07g0675000 (Os07g0675000)
mRNA, complete cds

ACCGCTCCTTTGCATAAGCAACAGTCCATGATCTTAGTTGACATCCAGACTCCAGGTGTAATTGTTAAAAGACC
GCTCACAGTGTTTGGCTTTGATGACGCACCTCATGGCCATGCTGAGATAATATTTGACAATGTTTCGTGTTCTG
CAACGAATATTTTACTTGAGAAAGGTCGTGGATTTGAAATTGCACAGGGTAGGCTCGGCCCGGGGAGGCTGC
ACCATTGCATGAGGTTGGTAGGAGCTGCAGAGCGAGGCATGCAATGGCAGTTCAGAGGGCTCTTAGTAGA
AGAGTGTTTGGGAAGTTGATTGCTGAGCAGGGTTCCTTCTTTCCGACATTGCCAAGTGTCGTGTGGAACCTG
AGAAAACGAGACTGCTGGTTTTAGAAGCAGCTGATCAGTTGGATCGGTTAGGAAACAAGAAAGCACGTGGG
ACAATTGCAATGGCCAAGGTTGCAGCTCCAATATGGCATTACAGATTCTGGACATGGCAATGCAAGTGCATG
GTGCAGGTGGCTTGTCTTCTGACACTGTTCTTTCTCATCTTTGGGCTGTTGCAAGAACCTTGAGAATAGCAGAT
GGCCCTGATGAAGTACATTTAGGAACCATCGCCAAGTTGGAGCTTCGGAGAGCCAAGCTTTGAAAATTGAAA
GGAAAAATTTTCAGGTACCATTATTAGAGGATGATGATGTTAGAAACCTAATAAAACCTGTGAGAGCATAAG
GAATAAGAATAAGATAAAAGAAAGGAAGAAGAGAGGCAAAAGCATCCGTTTTGCCTGCAATAATGGAAAAA
AGTAGTATCGTTTTCTTTTATTATTATTACATTGAGTTTGAGTCAACTTGTTAACGTATATACTTACGACCAAG
ACATCATAAGTTTGAAATTTTTCCAAAAA

>trans_s_2197 NM_106618|Arabidopsis thaliana atnudt3 (Arabidopsis thaliana Nudix hydrolase homolog 3); hydrolase (atnudt3) mRNA, complete cds

TTATGCTTAAGAATATTTTCAGAGGCCAAGTTCAAGCATACTCTTCAGCCTATTGCTGATGCTTGTATTAAC
GAGCAACGTGGGTTTGTGGATTTTATTCTTATTTACTCATGTAATTTGCCATGAGTGTGTCATGGCATTGG
ACCTCATACCATAACACTACCGGATGGTAAAGAACTACCGTGAGATTGGAAGTCAAGAACTCCACTCGGCT
ATGGAGGAGGCCAAAAGCTGACACTGTAGGCCTTTGGGCACTGAGGTTCCCTACCCTCCAGGGCTTGCTACCA
GGAATGTCATTGAAGTCCGTATATACTACTATCCTAGCAGGATGTTTCCGGTCAGTACGTTTCGGCTTATCAGA
GGCTCATGGAAAGGGACAGGCGTTTGCTGTTCAATTGGCTATATGAGAAAGAAGCCTTCATTTTCAATTCAGA
TGAAACTTTTTCTGTTGATTTTGACAAGGTGGGAGATGCAGTTGAAAGCCTGAGTAGGGAAATACTAACCATA
CAGGCAAAAGGTGACAAGGAGTCAGCAAATTTGCTTCTTCAGAAATACGGTGTTATATCAGAACCATTTGAAA
GTAGCATTGCAAAATTTAGAACGAATCCAGGTACCCGTGGATATAGCTCCTGAGTTTCCGATTGCCGAAGAAG
TATTGGGAAAGAAGCGGCCCTTTTGTGAAGGACTACCGGAGGCAACTTGGAATAAGATAACTATGGTGGTG
TGTGATAATATTTTGCATGTACCTCCCATCTTTGGGGAGTAGTTATTTCTGTTAATAAAATGCATTAATATTTCC
ATTGTCCATCAAGTTGAAATGGGGTATTATTGCTTGGTGTGCAATAATAAATTGGATGTATCTCCCATCTTTGA
GGAGCGACTATATTTTCAAATAAAATGCATTGACGTTTCATTGCCT

>trans_s_2198 XM_002875445|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pectinesterase family protein, mRNA

ATCGAGTGTCTAACTTGATTTTTTCGGTAGATCACATTCGTACTAATCAAGATGACAAAATCTAGAAGTAGAAG
TAAGTAATTTGAATTTTTTTTAATAGAAGATTCCATCTTCTTGGTAATCACCCCCAGTGCCACCTCAATCGAA
GCAGAACATGGAAAAGATTAAATTAAGGAAAAGATAAAAAAGAACATGAGCTGTATCGATGAAATGTAATG
GAATCGATCCCAAATTTGGTGTTTTTCGCATTCCGCTCCGTTTTATTCTACATTTGGTTTGATCTTCATCTTCAAC
AATCAACCCACTTCCCAACAACGCACCGGCACGAATTCATAGAGGATTTCTTCATGGCGGCCAGCCCAGG
GTCCTCACTGTGGCTCACGACGGCTGTGCAGATTTCCGCACGGTTCAAGAAGCCATAGACGCGGTTCCATTCA
GCAATACTTGCCGCACTGTAATCCGTGTGTCTCCTGGGATTTACAAGCAGCCTCTATATGTACCCAAGACCAAA
AATTTCACTACTTTCGCCGGTTTGAACCCTGAGACTACTATTCTCACTTGGGACAATACTGCCACCGAAATTA
CACCACCAAGCTGCTCGTGTCAATTGGAAGTGGGACTTTTGGTTGTGGAAGTACAATTGTGGAAGGAGAGGAT
TTCATTGCTGAGAATATCACGTTTGAGAATCTTCCCTCAAGGTTCTGGACAAGCTGTGGCTATCAGAGTTAC
AGCAGATCGTTGTGCTTTTACAATTGCAGGTTTCTGGTTGGCAGGATACTCTGTACCTACATTATGGAAGAC
AGTATTTGAAGGATTGTTACATCGAAGGAAGTGTGGACTTCATATTTGGCAACAGCACTGCTTTGTTGGAGCA
TTGTCATGTCCACTGNCAGTCGAAAGGCTTTATTACTGCAC

>trans_s_2199 XM_002317952|Populus trichocarpa ABC transporter family, retinal flippase subfamily (PtrATH2), mRNA

AACCTCAATCAGGTTGAAGTCAAATTTGGTGCTGGCTTTGTCGCAAATGTTAGTTTTGCCGATCGCAAAGGC
AGACAGACCCCGTCTCTTAATGGGGTACCGAATACCTCTGCCGGCTATGAAGAAATTAAGCAGTTTTTCAAAT
CTCGTTGGATATTCTACCCAAGGAAGAGCATAAATCTTTTCTAACTTACATCATCCCTCATGACAGAGAAAAG
CTTCTGACGAAATCTTTGATGAAGTTGAGGAGAGAAAGGGAGAGCTTGGAATATCGGATGTCCAACCTCAGTC
TTACTACCCTTGAAGAAGTTTTCTTGAACATTGCAAAACAGACAGAGTTGGAAAGTGCTGCAGCTGATGGAAC
CATGGTGTCACTGACTCCAATGGCATCTGGCGAAACTCTTGAGATACCAGTAGGAGCAAGATTTGTGGGAATT
CCAGGAACAGAGACCGCTGAGAATCCAAGCGGAGTTATGGTAGAAGTTTACTGGGAACAAGATGATTCAGGT
ACTCTATGCATATCTGGTCACTCCGACGAAATGCCGGTGCCGCCTAACGTGCACCCACTGCCTTCTCTGAGAAC
CCTCTCTTTGAGATCAGCTTCACAAAGAAGCCGTCTTGGACAGAGAGGTCCAGTTTATGGTATTGTGTATGAA
CCTGGACAAGTCACTGCTTACAATTGAATCTACTGCTTTCTCCTACTTCCACCTTTGCATTGTATATTTCAA

AATTTAGCTATCATTATTGAATGTTTAATTTTGATGTAGAAATTTTGAGCTTGATTCTTTAGAGTTGTATGAAT
AAATATTATTCACCGTACCATTTTCATAGATAATTTATATATATATGTAGTATATTCTTTTGTCAAATACTATT
TTATTTGATTGTGGCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2200 XM_002331883|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

ATATGCAAACAAGTTTTACTTTGACTTCTCAGCAACATATATTGGAGTAGGGATGATTTGCCCTCACATAATAA
ATGTTTCGGTGCTTGTTGGAGGAATTATCTCTGGGGCATAATGTGGCCTCTCATAGAAGAAAAAAGGTCA
ATGGTATAGTGAGAAATTGAGGTCAGATGACCTAAGTGGACTTGAAGGTTATAAGGTATTTATAGCAATAGCT
ATAATTCTTGGTGATGGCTTATACAACCTTCTCAAAGTACTGACTCGGACCCTCTCCGGCTTGTTGACCAACTT
CAACGTAGAAGAGAGAGTGAAGATTTCTCCACGGAAAATTCATCAAGGTCTGAGTTATCTTATGATGATGCAC
GAAGGAAACAACTTTTCTCAAGGACCAAATACCAATCTGGTTTGCCATTGGAGGCTATGTTGTAATAGCTGT
AGTGTGATAAACACTCTTCCACACATCTTTCCCAGCTAAAGTGGTATTATATCTTTGTCATTTACATCTTTGCT
CCTGTCTTGGCCTTCTGTAATGCATATGGATGTGGACTCACGGATTGGTCTTTGGCATCCACTTACGGAAAGCT
TGCCATTTTACAATCGGCGCATGGGCTGGGCCCTCGCGTGGGGGAATTATTGCTGGTCTATCGGCTTGTTGGG
GTAATGATGAATATCGTCTCGACAGCCTCAGACCTTACGCAGGATTTCAGACTGGCTATCTAACTTAGCTTC
ACCTCGCTCCATGTTTGTGAGCCAAGTAGTAGGCACAACAATGGGCTGCATTATTTCCCCTTGTTGCTTTTGGC
TCTTCTACAAGGCATTTGATGATCTTGGTCTTCCAAGTGGTGAATACCCCGCCCCTAATGCCGTTCTCTTCGCA
CATGTCTGTGTTGGGTTGGTTGAAGGTGCTTTCAGCCT

>trans_s_2201 BT011963|Arabidopsis thaliana At3g53940 mRNA sequence

AACGCAGTTTTCTGAAACCTAGAACAAAGACACAGGGAAAAGCAAGGCTTTTACTCTCTCTCCCTCTTCGCTGC
AACTTCCACTTCCAGTTCTTCTAGTGCTTCACCACTTCATATACTCTGATTTTAGCTTTCTTTTCTCCATTTTCT
CTTCTTTGATCTCTGTTTCTTACTATTTTTTTCTTTACCGTATTCAAGATTATTGATCAAGAGGGTTTAGGTTTA
ATCTAACACATGCAAACGGAGGCCAGGGTTAGTGAATGATGGAAGGAGGGCAAAGAGCTCTCAGTTCTGCT
CATGGTGGGGTGGTTTCTGTTGAGGGAGGTACCAGAAATTCGCTCCTAAAAACAACAGTCGCTTCAACTAT
CGCAGATTGGGACGGTGTGCGAGCTTCTCTGAGGTTGTTGCTGGTGCTTTTAGTAAGACATGTACCGCGCC
ACTTGCCCGCCTTACCATTCTATTTCAAGGTGCAAGGGATGCACTCTGATGTAGCATTGCTGAAAAAGCCAGC
ATATGGCATGAGGCTTCACGAATCATTACGAGGAAGGAATAAGAGCTTTCTGGAAAGGGAATCTTGTTACA
ATTGCTCATCGTCTACCTTATTCCTCTATCAATTTCTATGCATATGAACACTACAAAAAGTTACTTCACATGGTAC
CAGGTCTTGACCGTCGTAAGGATCAGATGAGTGCAGACCTTTAGTTCACTTCTGGGTGGTGGCTTGCGGG
AATTACAGCAGCATCAAGTACATATCCGCTGGACCTCGTAAGGACTCGCCTTGCTGCTCAGACAAACGTGATC
TATTACAAAGGTATTTGCATACTCTGAGGACAATTTGTAGAGACGAGGGTGTCTAGGTCTTACAAGGGAC
TTGGAGCACATTACTGGGTGTGGGCCCCACATAGCTATC

>trans_s_2202 AY105017|Zea mays PCO140238 mRNA sequence

AAAAGATTTATCACGATCCCTACTCTTCTCATAGAAAAAACCTTCTCCTTCGGTTTAATTCTCATCTCCGG
CCCACTCCAGTCCGGCGACACCACACGACGAGCTCCTCACCGGCACTTGCGTACGACTGAAGACCCCGAT
CGCAGCAGCAACCAACAATCGGTCGTAAGCTTCTGCCCTTTCCATCTCTCTCCGTTTCATCAACTAACGGCCC
ACGGCATCTGCGCCAAAACGCATATCAGCAGCCGAGAGCCATATTTTCTCCTTTCTAAAGGTTTATACCAAT
GGAACAACAAAAGAGAAACCATCAACTGCTGCAAACCCACCCATTCTTCTTGTGAAAGAAGAAAAATGAA
GAAGCTACATTTCTGGAGGATTGAAGGATCACATCGACGAATTCATTCATGCATCAATGGACGAACACAAAT
CATGCTTCAAAAAGACTATCAACAAGATGTTCCGTATGTCAAAGTTGTGGCAGATAGGAATTCAGAGACAA
TGGAGTTGAAAGTTCTCTGCCTCTTGAACAACAGTATCAGAATAAATTCTTTTCTCCTTTGTTCAAGTATA
GTTTGTCTTCATCTTCAACCAACACCATGAAGTCTCATGATTCTTGTTTTGATTTATTTCTACTGCTTATAGTCC

ATGTGAATCGTTACTGTTGTTTGTGTTTCCCTTGATGAGCTATAAATAGTTGTTATATTTTGCAAAGAATACTG
TGTTTGGATTTTCTTGTTGTTTGTACCTCTTGATAAATGAGAGTTTGTTAATATTAAGGGCTTAACGTGTT
TGTTTCTTAATTTAGCTTTGTGCATAAACATGTTTTGAACTGGTCAAACTATAAATAAGTATTTGGTCCCTG
ATTTTGATCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2203 NM_001069734|Oryza sativa Japonica Group Os09g0420800 (Os09g0420800)
mRNA, complete cds

AAAGGCGATTAGTCCAAATTTCTCAAACACTTCCAATTCTCCTTTCCTTATCTTTGTTACGAAGAACGTCGGAAG
AAAGAACGAAAGAGCAAAACGATGCAGATCTTTGTCAAACCTAACTGGGAAGACGATCACGCTCGAAGTC
GAGAGCAGCGATACCATCGATAATGTCAAAGCCAAGATCCAGGACAAGGAAGGTATTCCTCCTGACCAGCAG
AGATTAATTTTGTGTTAAGCAATTGGAAGATGGTCGAACGCTTGCAGATTATAACATTCAAAGGAGTCAA
CCCTTCACTTGGTTTTGAGGCTTAGGGGAGGTACTATGATTAAGGTCAAGACACTGACCGGAAGGAAATTG
AGATTGACATTGAGCCAACCTGACACAATTGATCGTATTAAGGAGCGGGTTGAGGAGAAAGAGGGGATTCCCC
CTGTACAGCAAAGGCTCATTTATGCCGGTAAACAGCTTGGAGATGACAAAACAGCTAAAGACTACAACATCGA
GGGTGGTTCTGTTCTCCATCTAGTGCTAGCCCTGAGGGGTGGTCATCTGTAAAAGCATTATCTATCACCTCCT
GAAATGCGGAATTTTGTGTTTTGTTTGTGGTGCTTGATGAATGCATGAGCGGCATCTTGCTTGTGTGTG
GATAAATGGAAAATATTTGAGCCCAAACCTTAACTCTCTTATCAAATTACTCTTGTAAATAGAGAGATTTTATGTC
CTGGGTATCTCCATCTGATACCCATCTCTTTTCAAGTTCAACATTAAACCATTGGTGTGCGTGGAAGGAGGAG
TTTGTAATTTAGTCCCAAAGTCTTATCAATTTTATTGGGGGAATGGAAGCTTAATTATCTCTCTATTGTTTT
ACTTAATTTGCCTAAAAAAAAGAAAAAAAATAAAAAAAAAA

>trans_s_2204 NM_001186326|Oryza sativa Japonica Group Os03g0138400 (Os03g0138400)
mRNA, complete cds

AGCTTTGTTTGTGTTGGAATTTTAGATCGGGGGTTTTACTTTCCGAGAAGGGGTTTTTTTTTTATGGGGTTGTTG
GGTTCATAAATTTTGAACCCGCGAGCGTTGACCCAGTTGCGAAATCGCAGTTTCCCGAAAAAAAATTTTCATT
TTCTTTTTCATTGGGGTTCAGATGAAGTGATTCTGAGATGAGTCGATTGAGAAATCCCAAATCTGGGTCCGA
TTTTTGGTGTAGTTGATAGGGTAAATTTTCGATTGGATTGTAGTTAGCGACAGTTTTGAACTATGGATGGCGA
TTCTAAGGATGTTAATGGCTGTAAAGAGAAGACTATGGACTCTGCAGCTGCCGAGAAAGTTGGGGATCACAG
TAACGGCGAAGAATACAGTGAACCGAATGCCCTATTGCCGCCGCGCGCGGTGGAATGTCGAGGAAATTGAA
TAAGCCGAGGATGAAAGTTCGGTGGAATGATAGTAATGGTAATAACCTAGCAGAGATTTGGAGTTCCAACC
AAGTGACGTGAGCGACTCCGGTGACGAGGAGGCTGATTCTTGCAGCTGTATAATTATGTAGATTATTACATCA
GATATTAGTATATAATGACAAGAACAATGTGGTTGCTTACGACTAACTGATAATAATTGGAGATGTTTCTGA
CTGTATACCAGATTGCTGTGCTACTACAACGACTGCCAGAGACGTTCAAAGATCGGTTCAATGATATGTTGTTA
CACCAAGCAGTTTCTCGCGATGTGTCCAGTGACATCTTGTACTGTTTCGGTTTTTCCAAATTAGTAAGATGAC
CTTCAGGTGACAATATACTATATGGATGATGATCATATATATTGATAATATTAAGTGAAACATTCAGATTAGT
TGAGCTTTTGACAGTGCAAATATACATTGTGTAATGCCACACT

>trans_s_2205 NM_001072889|Oryza sativa Japonica Group Os12g0197100 (Os12g0197100)
mRNA, complete cds

CCCCTCTTCAAGGGGAAAAAAGTTATACTTTTACTAACAAATTTCAACTAGCTTTGAACCTACACTACCTCACT
CTCTTCTTCTCAACACTTCACTCTCCGTCTCTCCCTGAATTTTACGACAAGGTTCAAGTTTTAGGGTTGATTTT
GGAAGAAGAAAGCTGTAGAGAGTTATGTCTGCAGCACTTTTAACTTGGAGGAGGGTCGCTCAAGTTTTGTA
GCATTAATAAAGGCAGCCAAATAAAGAATCATCTTCGGTTCTTTAATGGGTTTGTCCCAAATGGTCGATGCAAT
TTAGTCTCTAACTCTGCAATGTCTTCTCTGTTGGTTCCCTCAGCTTCAGTTCTCTTCCACCTCCGGATTTTCAATT

CCACAATCGTTCACGTTTCTCCTCCCATGTCATCAACTGCTCTACTTTTAACTCAGAGGCGTCAATCTCTTCTAAT
AAAGCAAATGATGAACGAGTTATTGTATTGGTGATTGGTGGAGGAGGGCGAGAACATGCTCTTTGCTATGCA
TTGCAGCGCTCTCCTTCTGTGATGCTGTGTTTTGTGCGCCAGGCAATGCTGGGATTTGAGCTCAGGCAACG
CCACTTGTATTCTGAGCTTGATATCAATGATAGTGCCGCTGTCATTTCTTTCTGTGCGAAAATGGAATGTAGGA
TTGGTTGTTATAGGCCCTGAGGCCCTCTTGTTCAGGGCTTGCAAATGATTTAGTGAAGGCTAGGATTGCTA
CTTTTGGCCCCTCATCTGAGGCTGCTGCTTTGGAAGGCTCCAAAAATTCATGAAGAGATTGTGTGATAAATAT
GGAATCCCCACTGCAAAGTATCAATCATTTACAGACCCTTCTGCAGCAAAACAATATATTCAAGAACAAGGTG
CCCCGATAGTCATCAAAGCGGATGGATTGGCTGCT

>trans_s_2206 AF349961 | *Daucus carota* ribosome protein L23a mRNA, complete cds

AAACCTAATATATAAGCATCATCTTCTCCCCTAGGTTTCGGATAGCGGCTTCTTACTCTGGTCGGAGTAGCGA
TTAGGTAGAAGGGCTCTGCAATGGCTCCAAAAGCTGACAGCACCAAGAAGGCTGACCCTAAGGCTCAAGCCT
TGAAAAGTCTAAGGCAGTAAATCTGGCCCAACATTTAAGAAGAAAGCCAAGAAAATCAGGACGTCCGTCA
CATTTACCGTCCAAAGACTTTGAAGAAGGAAAGAAATCCTAAGTATCCACGCATCAGTGTTACTCCACGGAA
TAAGTTGGACCAGTATCAGATTCTTAAATACCCTCTGACTACTGAGTCTGCAATGAAAAAGATTGAGGACAAC
AATACTTTGGTTTTATTGTGGACATTCGTGCTGATAAGAAAAAGATCAAGGATGCTGTGAAAAAGATGTATG
ACATCCAGACCAAGAAAGTGAACACGTTGATCAGACCTGATGGAACCAAGAAGGCATATGTTAGGCTGACTC
CCGATTATGATGCTTTGGATGTTGCAAACAAGATCGGAATCATCTAAGTTAATTAGAATTTGTTTTTTGTTTGA
GAAAAGTATTATCTTTCTGCAATGGGAATTTTGATTTATGGAATGACCTCTATTTTCTCCAGCAAATTAGTAAG
ATGTTTTCTTCTAAGCTATTGCAACACATGTTGACTCGTGAACCATAGGATGTGTTCTTGAATCTCTTCTGTAGT
TTGCAATTTTAGCTCAAATGACTTCACCTATTTCCATTTACGAAAAATCCAGTGTGAGTCTGGCCTCTCTTGG
TTGCTACTAAACCTGCTTGGTGGTGTACCCCTTCAAACCAAGAATTTTAACTACTTTTCTCGGTCTGTACTC
AGAAATTATAATTGACTTTCATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2207 NM_001063140 | *Oryza sativa* Japonica Group Os06g0114600 (Os06g0114600)
mRNA, complete cds

ACAGAGGTGGGAGGTTTTGGGCAATGGCGGGTTCAACCGGCGCTAATTCTTCTTCCAATTCTTCTCCTGCTCCT
CCTCCCCCAAATCCTCCTAGCAAAGCCTGGTCTCGTCCCCGGCGGACCTATTAGCTCTAAGATTGGACGTGG
CCCCGGCGCCGACGACGAAGCAGCTTCCATTCGCTCCCGTCTTCTTCTTGGATCCCTTAATCTTCTCTCCGA
TTCCTGGGATCTCCACATTGACCGTTTCTCCTTTTTTGAAGTGAAGAATACGGAGTTCAAGGTGGTGGGGATAA
TTGGTCCACCGGGAGTTGGTAAGTCGACGATTATGAATGAGATTTATGGCTACGATGGAAGTTCTCCAGGTAT
GCTACCACCATTTCCAATACTATCTGAAGATGTTAGAGCAATGGCTAGGCATTGTACATTGGGTATTGAGCCCC
GAATTTCTTCTGAGAGGATTATACTTCTGGATACTCAGCCTGTGTTTCACTCCTTCGGTTTTAGCTGAAATTATGA
GACCTGATGGTTCGTCCACTGTTTCAGTTATTAATGGAGAATCTCTATCTGCTGAATTGGCTCATGAAGTTATG
AGTATTCAGGATAATTTTAGCTGGGCATTCTTCTAGCGTCCATTTGCAACATTGTTCTTGTGATATCAGAGGGA
GTTTCATGATCTAAATATGTGGCATTGATGTTAACTGTTGACTTACTTAAACATGGCTTGCCTGACCCATCTTCT
CCTATTTCTTCTCATGCACAAAATTCTAATGTAGCATCTGAGAAAGAATACAAAGAAAAAACTTCTACAAGTG
AAGAAATATTTGGCACTCCCATCTTTTTGTCTATGCCAAGTGCAAGATCGAGATCTTGTTCCACACAATATCTTTG
CACTGAAGAGAGCATTTGCCTACTATTTTAAAC

>trans_s_2208 NM_119309 | *Arabidopsis thaliana* UDP-glucuronic acid/UDP-N-acetylgalactosamine
transporter-related (AT4G31600) mRNA, complete cds

GGTTTCTCCCCATTTTTCTATACTCTTCAAAACCCACTCTCTTCTCCTTTTACTTTCTTGCTTTCACTTCCAAGTTT
CCAATTCCCACATGTTCCATCCCTCTCAATTCATGGACTGCAATTTACAGGTGATTGTTTCTTTTGACCCATTT

GTCGGTGGTTGATTGGGGAAGTTTTGCCGGTTATTTCTGATCTAGCCATCGACAATGGATATTCTCGGTG
ACCCAGATAAGAATTCTTATCGGAGTCTTGTAGCGGCTGTATCTTATGGAATTGCTTCGATGGCTATGGTTTTT
CTTAACAAGGCTGTACTTATGCAGTACTCACATTCAATGACCCTTCTTACTCTGCAGCAATTGGCAACCACATTG
CTTATTCACTTTGGTAGAAAAATGGGTTACACGAAAGCCAAGGGGCTTGACATGCAAACAGCTAAGAGAATTT
TTCCTGTCTCATTGTTCTATAATGCAAATGTGGCGTTTGCTCTTGCTAGCTTGAAAGGGGTTAACATCCCAATGT
ATATCGCCATTAAAAGACTCACTCCTCTTGCTGTTCTGATTGCGGGGTTCTTTTCAGGGAAGGGAAGGCCAC
GGCACAGGTTATTTGTTCACTCTTAAGTCTGCTGCCGGGGTCTTGTTGCTGCATTGGGAGATTTTTCATTTG
ACCTTATTGGTTATAGCATGGCCTTCACTTCTGTTTTCTCCAGACTATGTATCTTGATTGGTGGAGAAGTCAG
GTGCAGAGGATGGGCTTTCGTCTATTGAGATCATGTTTTACAACAGCTTTTTGTCTCTCCTTTTCTGTTATTTCT
GATTTTATCCACGGGTGAAATCCCAAATCTTTATCTTTATTATTGCAAAGAGTAATTCATTCTCCTTTTGGTT
CTCTTCTCCTTTCAATTGTTGATGGG

>trans_s_2209 EU544304|Malus x domestica bet1-like snare 1-1 (Bet1) mRNA, complete cds

ATTTGTGTTATGTATATTTTATTTTCCAATTAAGCTGAAATTCTGGCCGAAGAACAACGCTTTTCGCTGGACTG
ATCCCCCGTGATGAGTTACAGAAGGGAGCACCGTTCTTCTAGATCTGCTCTCCTTGATGACCTGGAGGAGGGC
GGTCTGAGGACTAGCTCTTCCGTTGAAATTAAGAGCATGACAATAACAAAGCCCTCCATACTTTGGAAGATA
GAGTTTCTATTCTGAAAAGGTTGACAGGTGACATTACGAAGAAGTGGAAAGTCATAATCATTTACTTGACCG
AATGGGAAATGGCATGGATGCTTCAAGGGGTATAATGTCAAGAACCATGGATCGATTCAAGATGGTTTTCGA
GCAAAAAACGAAGTGGAGAACTGTAGACTTGCAATTGATTTTATATTGTCCTTCTTACTTTTTTCTATCTCAT
CAGGTTCTCAGATACTTCATGCAGAGTTGAAGTAAGATTTCTATGTTGAATCAACTCGAAGCATTGCACGACC
GTGACAACCTTGCTTAGACCTGTTTCTACAAGAACACTGAAATACATACCATACTTCTCGCGGTACAAGATT
TGTCAAAATGCATAGTTTCTGCTTCGAAGGAGTGGAACAGATGGTCATTCTTTAATCACTATTCTTAATTTATT
TTTTTATGGGTTAAAAGCGCATATCCGTCAGTTTAGGTATATTTCTTGATTTAAATCATGAGTATATTTTGCTCA
TGCTTTTAAAAAGAAATAAGCTTTTATTTTCAAGTTAGTACAGGACACACTGTCTCATTGACTCCCATTTTGAAT
CAGTATATTTGGAGAGGTTTGAACTGGATTTTTCTATTGACCTAACTAAATTAGAACCATTAGTTGCAATT
ATCGGACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2210 AY108084|Zea mays PCO147505 mRNA sequence

AACCGAATATTATTCTACGCTATCCTGGAGGCTGGAATATCAGCGTCCTATTAAGATTCAAAAAAGATTCA
AAATCGCACGCAACTCGCTAGAGGGCTAATCTCTCTCTCTATTTTTCCCAAATTGAAAACCCTAATTCATTC
CGTTCTCTCATTTTTGAAGAGTTGAGCGAACGCAATCGAAGCACCATGGTCTTCTATTTCAAAGCCCGGCCGA
CGTCGGCGATTACACCATTTTCATGGGACTCGACAAGTACGAGAACGAGGAGCTCATCAAATACGGCTTCATC
GAGGATATTTGGTTCCATGTGGACAAGATGTCATCTGCCCATGTATATGTGAGACTGCAAAAAGGGCAGACC
ATTGATGATATTAGTGAAGGGTTGCTGGAGGATTGTGCTCAGCTTGTAAGCAAAATTCTATTCAAGGAAACA
AGGTGAACAACATTGATGTTGTGTATACACCTTGGTCCAATTTGAAGAAAAGTCTTCGATGGATGTTGGCCA
AGTTGGTTTTTATAACCCCAAGATGGTCCGAAGTGAAGGGTGGAACGATCAATGACATTGTCAATAGA
TTGAACAGAACTAAAGTGGAAAGGAAGCCTGATTTGAAAGCCGAACGAGAAGCAGTGAATGCAGCTGAAAG
AGCAGAGAGGAAGCAACACTTGAGAGAAAAAGAAACGCCGCGAGGAACTAGAAAGGTTAGAAAAAGAGAGG
CAAGCAGAGTTAAGGAGCTACAAGGATTGATGGTTTCTGAAAGATGACATCTAACAACAGATTGCAGCA
ACAAGCAAATCACTACAAGAGCTGGAGGATGATTTTCATGTGATCTAATTGATCCGCGGTTCAAATGCTGCCAA
AAACTAGCAGCAGCTAAACTACTCGTCCGTAGAGATGGCCATCTGCGAATC

>trans_s_2211 XM_002879695|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mate efflux family protein, mRNA

TGCCCCAAAATAGGCCATCTATGTGGAAATCCCGTTATTTTAGTCAAAGAAAAGACCCACCAAGATATTTCT
ATGGCGAGCTGCAATTCTGTCCGTCGAAAGCTCGTCCTTACAAATTGCGACTAATATATATTGTTTCATCTTCCC
CTTTCGCAACCTCCACTGCCCCGCCCTTCCACTGTTCCATTTCTCTGTGACCGGAGATGGCCACCGGTCTCTCTA
TCTATGCTCCATCCTTCAATACCCACACTAATTTATCATTCAAGTGCCAAATGCTGCGTAGAAACGCCAACTGC
GGACTCCTGTTTCCTTATCTTCCAAAACCTTCTTCCACAAGAATCTTACTACTTCTTCCCTGAAGAGTCCGCTG
GAAGAATCGAAGTCTACAGCCTCATCGGATCAGGTCCGTCGAAACAGACTCGACAAGAATTCGCCCAACTCCT
TCCTGTCTGCGTCTGTAAATCGTTTTAGAGATGCTGCTTTTAAGTTTGATGAACTTGCGCTGGACATATTGGCG
ATTGCATTGCCTGCTGCACTGGCTTTGGCTGCTGATCCAATTGCATCGCTGATTGACACAGCTTTTGTGGTCA
TATAGGATCTACTGAATTGGCAGCGGTTGGGGTATCAGCTTCAGTATTCAATTCGGTGTCTGAAGTTATTCAAT
GTTCTTTACTCAATATCACTACTTCATTTGTTGCTGAAGAGCAGGCATTGATTAATACCGATGAGAAAAACAT
TGTTCAAACAGATATTGATGACATTGAAGATACACAAGAAAAGAAGCTCCTTTCCTCTGTCTCCACTTCTTTAG
CACTTGCTACGTGTCTTGAATTGCTGAAGCTGTTATGCTGTCTCTTGGTTCAGGGACTCTAATGGATATCATG
GGTATACCTGTTGATTCATCAATGCGTGCACCTGC

>trans_s_2212 AY052402|Arabidopsis thaliana anaphase promoting complex subunit 11 mRNA,
complete cds

ATCGTTAAAAAATATTTTAAAGAAATAAAACACACCACTTTTAGCTCCTTTCGTTAAAAATCAAACCTTGCTCCAG
TCCTCTCCAATCTTCAACGTTTCGGCCCCCTCCCCTCCAATCAGACGAAGCCGCGACCGCCACTCACCTCTACG
ATCAGAAGACGCCCCGATACTGCAACTCCGAGCTGACTAGCCGCTCTTGCCTCCGTTTTGGTTACTTGCTGTCTC
GGTTTAAAGGTGGCATGCTGTTGCATCATGGACTTGGAATGCCCAAGATGAAACATGTGGAATTTGTAGGAT
GGCCTTTGATGGTTGTTGCCCTGATTGCAAGCTCCCTGGAGATGATTGCCCATGATTTGGGGTGCATGCAAC
CATGCTTTCCATCTTCATTGCATCCTAAAATGGGTGAATTCACAGACTTCTCAGGCTCATTGCCCCATGTGCCGC
AGAGAAATGGCAATTCAAGGGGTGATATCGCAATTGTATTACTTGTGACTCACCGACTATTTGGACATTCGGTC
CCTAGTTAGGTGTTGCTGTGAGACAGTGGGCCTTAGCTAACGAGGTAGCTTTGAGCTATTTTAAAGGTTACATT
TCTTCAGTGTATTATATAATATGATCGGGAATTGAAGCCGAGTTTGTGTTTCTCAAGTCTTATCGAGTCCCACCT
TCTTTGTATGCTTGGATAGGACCTTACAAGACGAACGAGCAGGGTTGAAGTTTGATCCTATTAGGATTAGATG
ACATGTGAAATAACCATTAATTTTTTGTCTTCTATCTGTCAATTGGCTGTTAGAGAGTTGGAATTGTGGAAATGG
TTTGATTTGTAGAATTCATTTTATAGTTCTTTTAAAGTAGAGTTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2213 AB294513|Cucumis melo var. cantalupensis ETR2 mRNA for ethylene receptor,
complete cds

ATAAATAAGAGCAATTCTCAATCAGAGGGCTCTATTCAAATGTGGTATCTGGTGATCGGAGATACGCCAGTG
ATGGAGCTGAGGAACGCTTGAGTTTTACCATCTGCAAGAAGCTTGTTAAGTTGATGCAAGGGAACATATGGG
TAATCCCTAATCCTCAAGGATTTACACGAAGCATGGCACTTGTTCTTCGTTTTCAACTTCGACCTCCATAGCAG
TGGCCATGCCTGAACCTGGAGAATCATCAAAACATCCCACTCCAATTCCATCTTCAGAGGATTGCAAGTTATT
TTAGCCGATGCAGATGACATGAACAGAGCTGTGACAAGAAAAATGCTCGAGAAGTTGGGCTGCAACGTGACT
GCTGTTTCTTCTGGATATGAATGTCTCACAGTCATGGCACCAGCTGGTTCTTCGATCCAAGTGGTGCTCTTGG
TCTTCACATGCCAGAATTAGATGGTTTTGAAGTTACAACAAGGATTGAAAAGTTTAGAAGCCAGAATTATAGG
CCAGTGATCATTGCATTAAGTGAAGTGCCGGTGAAGATTGGGAGAGATGCGTGCAAGATTGGGATGAACGGT
GTCATACGAAAACCGTTACAGTTACAGGGAATCGCCCATGAGCTTCGCCGTGCTCTGCTGCAAGCAAGTAAG
GTTGTGTGAGGAGGAATAGAGAACCTGGCAGTTAATGTTTATGTGCAAAAATCTGGTTATCTTGATAGAGAG
GTAGCAAGCAAATATAATTAGTCTCTGACCTCAAAGTCTGAGTTTCCCATCAAATCTCTCCGCCAGAGAGG

AATGTTACGAACTCGAAAAATGTTCAACAATTTACAGTGAAAAATGGTATACAATAGTTGTCCCTACTCTCT
TTTCCTTTCACATCTTCTTCTCCCTCAATCCTATCTAACACGGAGGG

>trans_s_2214 U13631|Brassica oleracea var. botrytis non-green plastid inner envelope membrane
protein precursor (BOIMP8) mRNA, complete cds

CAAGGAGATTGTGGAAACATTTACTTCTCCAAGTACGACTTAAGTGATATTTCAAAAGTTCATGAATTCTATT
ATGGGATACCATGCGGACTGGTCCTCTCTGTTGGTGGTTTTGTTTCCTTCATGCTAACGGGAAGTCTTGCTGCA
ATTAGATTTGGAGTGATACTTGGTGGTGCTTTGTTGGTGTGAGTATTTGAGCTTGCAGTCGTACAAAAGAG
GACAATCACTTCCAATTGCTCTGAAGGGGCAAGCAGTGATTGCAAGTATTCTATTTCTCAGAGAGTTGCGCTTG
CTGTTTCAGAGACCATCATTTTTTAGTCTTCCGACTACTTTGATCAGTGCAACTATGGTCACACTATATTTCTATA
GGATCGCTCTGGATGCTCGCATCAAAAAGGGAAAAGATTTCAGGACAGAATGAAAACCAAGTCAGGAGAACT
TTACCAGATCTCCATATCTTCACGATCTGAAAACCACAGTTAGCATACTTGAAGAGAATAGTTTCTGCTTGTTCA
GTTTAAAAAAAACCTTTGAAAGAAATGGTATGATGCTGCTAAGGCTAAGAGTTCCAAGGAAGTAGACTATG
AAGTTGAAGTTTGATTGGGAAAAAGGGTATGGAAATTTGGATTATGATTAGGTTGAAGGGAAGGGTAAGTAT
CTTACATTTATCTGTTGCTAGCTGGCTTTTAAGAGCATCAAAGAAATGGATTTAATATTTCTTCTTTCTTTCTTT
CTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTGAGAGTTCATTTTCTTTTTATTGAATGTCGACAAGACAACA
ATGTGAAGGAGCCAGCTGAGTTGAAGAGGTGGTTGGAAAAAAGTGGCACCTCCAAGTAATTTGAATGTGTT
TTAAGTATTGTCGACTCCGTTTGTACTAAAAATAA

>trans_s_2215 NM_001071632|Oryza sativa Japonica Group Os10g0522500 (Os10g0522500)
mRNA, partial cds

ACAATTTGATTGCACTAATAAACATTGCAATCTGACTATAATTATTCGTCCAATTCAAAGTGAATAAGTGATTAT
TTAATGCCGTAGAAAACCTTCATCGAAATTGAACGGATTTGGATGAGGATCGAACGGAGAAGTGCCGGCCGG
CGCTATGACCTCCAGTTGAATTCAAACAAGTTTTATGTAGTTCGTTTTCTCGATTACCAAACAAGCAAAGATC
ATGATCAGCTCAATTCCTTCTCCAGCCCGTTGAATCAGTTGACGTCCGCTCTCCCATTTGCGCTAAAAGTAA
GATGAAGGCTCCAGCAATTTCTGCTCGTCTTGACGATTCTAAGAACTCAGCTAATCAGCAACTCAATCTCTCTG
TCCTCCGGTTCACACTCGGGATTCTGGGTTGGATGAGTCTTACTTACCCAGATGGATTGGATATGGATTGGT
TCTCTTCTTCTATTGAATCACTTTGTTGGTTCGAATTCAGCTGCTCTCACCACCCAGCACAGTTAAGAACTGAG
GCTTTAGGCATTTCTTGGCAGCATTTTCTATTGCACTTCCCTACTTGGGGAAGTTTCTTAAGGGTGCAGTTCCA
TCTGGAGAAGCTACCCTCCCTGAAGGCACTGAACAAATATTTCTTGTACAAATTGTATCGGATAACTTGAA
GGAAGACATTGCTTGGGCAACATACATCTTGCTGCGCAATACAAACAGTATATCAGTGTTAATTCAGACTCAA
GGGGCATTGTGTGTTGAGGATACTGGAATAGTCCAAATGATATATCATCAGCAGATTTACTTGCCTGGTTTG
AGGAGCAGCTTCAGAGCATTGGCCTATCTGCATTAAAGGATGCCGTCTATTCCCTCAGACTTCAGATGGCAA
GCAGATCTTGGCATGAGAACTTGACATGTTGCAGCAT

>trans_s_2216 NM_100314|Arabidopsis thaliana lesion inducing protein-related (AT1G04340)
mRNA, complete cds

AGGACTGTTTGGGGTATTGAATTTTACCATTTTAGGCTTCCCTTCAATAATTTCCGCCCCCGTTGGACTCCGCC
GGAGCTCTGAGTTCCGATCCCAAGCTTCAAGCTCCAGGTTACCCCTTCTCTCTTTCTGTACAAATGGGG
TTCTTCTCCTTTCTCGGACGGGTCCTCTTTGCTTCCCTTTTCATTCTCTCCGCCTGGCAAATGTTCAATGAGTTTG
GCACTGATGGTGGACGTGCTGCAAAGGAATTGCTTCCAAAGTTGAACACTTTTAGGAGAAATTTCTCCGCTAG
ATTTGGATTGACCTTCTGTTATTGATGTTTCCATTTAGTTGCTGCTTTTCTGTCTCTTAAAGGCATTGGAGG
CCTTCTATTTGTATTCGGGAGTCCAATCGGAGCTTATCTTCTGCTTCTCTACTTGGCAATTAGCACCCCAATTCT
CTATGATTTTTTCAACTATGGTCGTGAGAATTCCAATTCGGCATACTAATGAATGATTTCACTGCACGTGG

CACTTGCTGGTGCATTGCTCTTCTTCATCGGAACAAAGAACTCCATTTGGAGGAAGCAACAGAAGAAGAAGGC
ACATAAAGCCAAGACAACTAGAACTTAAGTTAAATCACTACTTCGACTCGAAATTGTTCCCTTCATTCCCTTC
CTCTCGTGTGGGGCTCAGTTGGAAAGGTAAATCAATAGCTGGATGTTAAATGTGGGTTTTCGAAAAGCTT
CTTATTTGATAATTCCATTTTGTAAATAATAGATTTACTCATTTAGGGATTGTAGTACTCTTGACTGTCAATTATTG
TTGGAGTTGGAAGTGGGAATTAGCCATAATATTACATGCAAGTATGAAAGGATTTAGAGAACATGTTTTTCTC
CATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2217 NM_115216|Arabidopsis thaliana chloroplast lumen common family protein
(AT3G53560) mRNA, complete cds

TTATTGTTTCATCTTCTACCTTGTTGGGCAACGTGATCAGGGTTTTGGAGCGCTGTATATCCCATTCTCTACTCCC
GTCCGCTATGGAATCTCTTGGAAGACTGCAACACTGCCACCACTTACCGTCGTTTTCAAACCACTTTCTTCACT
TAGCTTCAGAACCCGACTGTCGATACCGTCGCCGTCGTCTAAATCATCATCCAGAGCATTTCCTCGTTCCTATC
GTCCTCCCTTGACTCAGTTTTCAAACCTCCGCGACGGCCAGGTCCTCACTTACCCAAATTCTAGACCCTATTTCT
CTCATCAGTCCTTAAACCACTGCGTTACTCTTACCACGGCCGCTGCTTTGTTTTTCATGCGGTTTTGCGGAAA
ACCTGCTATTGCAGCTCCCATTCCTCCGCTACGGTGGAGTCCGTGGAGGAATCGACGAAAGACGAAGCTTCT
CGTGGAGAGAAAGAGACGGTACTTGAAGAAGAATTGGTGAACAATTCCAATGATGTTGAAGCTCTTCAATCG
CTCATTGAGGTAAATGTTAAGGCTCGGAAGTTTCTGAAGCTATTAATAATTCTAGACCGTTAATAAACTTGA
GCCCAATGATTTAGAATGGCTTGTTGAAGGCCAACGTTTCATAGTCATGTGGGTGACTCTGAATTAGCGAGA
AAGGAGTTTCAGAAGATTTTAGAGAAGGATCCTTTCAAGTTGAGGCTTATCATGGGCTTGTTATGTTAACAG
AAACATCAGATATTGATTCGTTGAAGGCGATTCTGATTAGGGTTGAAGAAGCACTGGAACATTGCAAAAAATA
TAAAGGCAAGTCTGAGGAAAGGGATTTTAAGCTCTTGATAGCTCAGATTAAAGTTATGGAAGGGAAGTTACT
CTGAAGCATTTGAAGATTACCCAGAACTGAGAGGGAAC

>trans_s_2218 AF517154|Cucumis melo 26 kDa phloem lectin (Lec26) mRNA, complete cds

GATCCATATCTCCAATCTCTTAATAATTCAAATTAACCTCTTGAAATGGTTTGCCTAGAGACTGAAGCAAGAGA
GAACTTGCAAATAAAAGAGAAATTTGGTCATTGCCTGAGTTATATTTGCCAAGTACCGGAAATCCTGTGGTG
CATTGGCCCTCTACTCTAAGCTTTATCAACAACCTTTGTGAAGGGATCACACTAAACAATGGAACCTAAGATTTA
TTGGTTTGATAAGAAGGGAAAGGGTAATGGGTACTTCTACTTCCAAAATCCCTCTCAATAGCTTGGATTGAT
GATCGTCGGTACTGGAATGGATATTTGTGGAGCTCTCCGTAAGAACTTGAAGTGGCTGAGCTTATAAGA
GTAAGTTGGCTAGATGCACGTGGGAAGATAAAGGAATATATGCTATCACCTGGCATCGTATACGAAGTATTGT
GTCATCTTTTGTTAAAGCCTGGTGCCTCTGGATGGCATGAACCTATTAACCTTTGGACTTACCTTTCCAGATGGG
AAAACATATGTGAACCAAGAAAGCCTAGAGTGTAGGCCACGAGATGTTTGGTTTACGGTTAAGTTCGGGGAA
TTCAAGGTCGACGATAGACATGGTTGTGACAGTACTAAGGAGTACGAGTTTAGCATGTATAACCACGGTGGAA
CATTGGAAGACGGAGATGATCCTTAAAGGTTATGAAATTCGACCAAAGCAATCAAGTTGCGGATGCTAAAAA
TATGAATCTCTAAATCTCTCACTCCCAATACCCTACTTTACTTGTAGTTTGGTTTAAATAAATGAGAGAGGTATA
CTACAACTGTAGTTGTTTTCTAATATATAACAACAATATCACTATGTAATACAGTAAAGATATATATGATATA
TAAATTTACCTTTTACTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2219 AY104932|Zea mays PCO147149 mRNA sequence

ATCTTAACCATTCGCCTTCTCCCTGAAATCACTCCCTAGATTCTCTCCATTCCATTCTTCACTTCTCCCTCTCTC
TATATACTGATACTTGTCTCCCGCGGCGGCGATTCCCATGTCGGAAACGAAGTTCTTCGACGCTGCGGCC
GCGACGGAGTTGGTGAAGGAACTTAGAGCTATTTTATCTCCGGCAACACTCGGAGCTATGAGTGGAGAGTA
TCACAGCTTGAGAGCCTCTGAAGCTCTGCGTTGACCATGAGGAAGATATTTGCGATGCGCTTCGCTCTGACC
TCTCCAAGCCTGCCTTGGAGTCCATTATTCACGAGATAGGTATGGTAAAAGGTTTCGTGTAAATTGGCAATTAA

>trans_s_2220 NM_001070196|Oryza sativa Japonica Group Os09g0514600 (Os09g0514600)
mRNA, complete cds

>trans_s_2221 AY035126|Arabidopsis thaliana At5g51290 mRNA sequence

>trans_s_2222 D83007|Cucumis sativus seedling cotyledon psaL mRNA for subunit of photosystem I, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATAACAGTTCAAAAAGGAAATCG
ATATGCAATCACAAGGATCTAACAAGAGGTGGGCAGAAAATATACAATTTTATGTTCCATAACACAGACAT

GGAAGTTGCATTGTAGAAACAGAAAATGATACAAAATCTACTTGACGTAGTAAGGGAGGTCCAAGACATAGA
GGAGGAAGTATGCCCAGATCACACCGGAGATACCGCCGAAGAAGAACCCGCCTGAGAATTTTGCCCACCCAT
CGGCTGTTTGCAAGGATCAGGGGTCTTCTTCTGCCAGTCAAAGTCAATGATGGTGCGGTAGATGGCTCTCC
TTCATTGAATGATGCAACACCATACATTGTCAAGCAGATGCTCAAAATGACAATGAGACCACCGGCAGCCAGT
GAGCCTGCTCCTCCGGCGTAGGCTGTGTTCTTAGAGGGCCAGCTTTGACAAATGGACCAACCAGAAAAGAAA
CCGTGAGCCAGGCCCACTTCAATTCCCCTCAGCAATGGACTGACTGCTGTTCTGTAGGCTGGGAGGTTTGAAA
GGTACCATGCTATCAGTGGGCTTGAGGTTACTGGAGTCTCAAGGCTTCCAATGAATGGGTCTCCATTGATTGG
CTGGATCACTTGGAAGTTGGCTTATCAGCTTGGATGGCTCTGATGGTGAAGGAGTGTGTTCTTGTAGGGATG
CGTCGGAGGGGCGAAGCGGATAGGCCTTTAGGAGAGATCAAAGCTCTGGTGTTAGATGAAGCGAAGCTGGA
ACTGAGCTGGCTGGCAATGGGAGAGGTTGAGTGGCCATGGCTGCTGCTTTTGCTTCTGCTGCCTTTGGCTTG
TGAAGGATCAGTGGCAGAGAAGAAGAATGTTACCCACCTGTGTC

>trans_s_2223 AY062714|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g06210; MBL20.9) mRNA,
complete cds

ACGTCCGCCGTTCTTTCCCCGCTCTCTCGACTCGGAAATGGACGCATAGCATCACTCTGATACTACTACCATG
GAGGCGATCAGAAAAGCGATAGCAATATCCTCCAACCGTCGTGTTCTTCCCTCTCTATTTCTCCCCGCTCTCG
GCTCGTCTCTTTTAGAGGCATAGCTACGAAGCTTTTGTGGTGGACTCTCATATTACACTACGGACAAAGGAC
TGTCAGAAGCCTTTTCCAATACGGTCAGGTTATTGAAGCTACAGTTGTGATGGACAGAGTCTCTGATAAGTC
AAAGGGATTTCGATTTGTCACCTTGCATCCATAGACGAAGCGCACACGGCACTATCAGAGATGAACGGAAA
GCCTTTGAACGGAAGGGTTATTTTGTGAAGTATGCAAAGCCAACAACCTCTACTCGTGGTCAATTCCTATAG
CGAGAGGACCTCCCGAGGAGAAAAGTATAATGATTGCTAAAAAAATTGTCTATCATTTATCAAAAAGAAA
TTAGCTGAAAAGAAGAGACAATCATTGAAGCTGCGCGTAGAAAGTGTGATTCAAACGTGTCTTTCAAGAAT
TTGCTTCATGTCAGAGACATGTTTAAAGCTTCGGGAAAAAGAGGTCAGCTTGCTGGAATTTTAAAAATATTCT
TGATTTTCTTATTGGTTAAGTAGTGCTCTGTTAAGTATGGTTAACTGATGTCCAGACATCTGTCCATATATTTT
CTCAGTTTGCTGATTGCCATATTGTGATAATAATATTTCTTTTGCAGCAATTAGTCTCACGGTTTAGAATAAGG
TATAAGTCTGATTTTATTTTCAATTTATTCTATTTCCGGTGACTTATCTTTAATACTTTCTGAACTTAAAAGATA
GAGAACATTTCCGGTCCTACAAAAAATAAAAAAAAAA

>trans_s_2224 AB552922|Glycine max mRNA for pyruvate dehydrogenase, complete cds

AAAGAAAAGAAGAGGCAGCATCAGCACCAATTCAATTCAATTCAATTTTCCTAAAGGACACACCCACC
ATTATCAACTCTTCAAGCTCGATTTTCATCTCCATTCCTCTTTTCTCCGCCCCCATTTCTATAAATCCCTCCTTT
CCTTTATTCATCTTCCCTTCCGTAGATCCCAATGGCCACTGTTTCCACGCCCTTGGAGCTGGCTCCGCTTTGT
CACCTCCCAACTCCTTACATTCTTCCAACACCTCCCTCCTTCACCTTCCAGATCCCTCTCTTCTTTTGAGAGGAA
AGGTCGTTTCTTATTGTTTCGATCTGACGGAAGAGGAGCTAACCGTGCTTTTACCCCTAGATCTCGCTCCCAGC
ATTTGATCACTAATGCAGTTGCGACCAAGGCTGATACTTCATCGGCTTCGACTACATCGAAACCAGGGCATGA
ACTCTTGCTTTTGAAGCACTAAGAGAAGGTTTGGAGGAAGAAATGGATAGGGACCCACGTGTTTGTGTCATG
GGTGAAGATGTGGGTCACTATGGTGGTCTTACAAAGTGACTAAAGGTCTAGCTACCAATATGGTGATCTTA
GAGTTCTCGATACGCCTATTGCCGAAAACCTCCTCACAGGTATGGGCATTGGAGCTGCTATGACGGGGTTGAG
GCCAATTGTTGAGGGTATGAACATGGGATTTCTTCTTCTGCTTCAACCAATCTCTAACAAATTGTGGAATGC
TTCACTACACGTCTGGCGGGCAGTTCAAGATACCAATTGTTATTCTGTTGGCCTGGTGGAGTTGGACGTCAACT
TGGTGCTGAGCACTCGAACGTCTCGAGTCATACTTTCAGTCGATCCCTGGAATCCAGATGGTTGCTTGTTCAA
CACCTTATAATGCAAAGGGTTTGATGAAAGCTGCCA

>trans_s_2225 XM_002892028|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein,
mRNA

AGGGTTGTCGTTTCCGTCCCAAGCTGGCCGGAAGCTTTCAACCAAAAATTTTCTTACTGCTTGGTGGACCGTTCCG
CCTCTTCCAAACCGTCCTCCGTAGTCTTCGGCAACTCCGCCGTCTCTCGAACCGCCCGGTTCACTCCTCTCCTCA
CGAACCTAGGTTGGACACGTTTTACTACGTTGAACTACTCGGAATCAGCGTCGGAGGTACGCCCCGTCTCCGG
CATCTCCTCTTACATTTCAAGCTTGATCGGACCGGTAACGGTGGAGTAATAATCGATTGCGGTACTTCTGTTA
CTCGATTGAACAAACCAGCGTACATTGCTCTGCGGACGCTTCCGTGCTGGAGCTTCAAGTTTGAAATCGGC
GCCAGAGTTTTCTCTTTCGATACTTGCTACGATCTGTCTGGGAAGACGACGGTGAAGGTCCCGACAGTGGTG
CTACATTTAGAGGTGCTGATGTATCATTACCAGCGTCCAATTATCTAATCCCGGTGACGGCAGCGGCCGATT
TTGCTTCGCTTCGCTGGAACCTACCAGTGGGCTATCAATTATCGGCAACATCCAGCAGCAAGGATTTGGGGTG
GTGTACGATTTGGCGAGTTCTCGGGTCGGATTTTCTCCTCGTGGTTGCGCCTAATTTCTTGAACAGACAGCAC
GTAATGCGGGTTGCCGGAGAAATTCCTCCGCCGGCGTCTGTCTAAAACCTTCTTCTCTTTCCGACATGTA
ATAATAAAAAAGAAAGAAAAAAGAAAAAAGGTGGAAGAAAAAGGGTGCATAATTAGACTCCAACGGTGT
CGTTTAACTTTTACTATTTTATTTAACTTTTTAGTTTTTTCATTCCAAATATCTCCATCTCTTTTCTTATTTAATTAT
ATTTTCTGTAAAAA

>trans_s_2226 FJ643600|Actinidia latifolia GDP-D-mannose pyrophosphorylase (GMP) mRNA,
complete cds

TTAGATATAATCTTAGTCCTGTGATATAATCTTTTGGCTGTCCGATATCCATCCAAAACCTGGCAGTACCATTG
CATAAAGCTTCTGCTCTGCTGCAATGCTAGGGAACACCTCTTTCTCAATGGATGTTGGTCTCAGTTCGATTCTAT
CTAGAACAGAGGGGTTTAATAGGTAAATTCGCCGATTGATTTTGTGCCCACAAATAGTTTTGGTTTCTCGGCA
AATTTCTCACTTCCCTGTAGATTCTGTCATGACCACCACACCGTATTTGGAAGGCTCATCCACCTTGGTGACC
ATGATTGAAGCCTCTCCCCATGGCTCTGTGGAATCAATCATTTGTTAAGTGGGTACTCACTGATAACGTC
GCTATTGAGGACAAAGAATGGCTCGCCTGAATCATCTATCAGTTTGTCCCTTGCAAGGGCCAGAGGGCCAGCT
GTTCCAAGGGGTTCTGTCTCCTGAGAGCATGTGATCTTGATCCCAAGCTTTTCTCAAATCTTTCAAGAAATTC
AACATTACTTCTGGCTGATAATTGATTGCCAGAACTGTCCTCTCACTCCAATAGCCTTGAGAGCTTCTATCTGG
TGCAAGATCATGGGTTTATTCGCAAAGTCAACAAGTGGCTTGGGAACACTGAGGGTCAAGTGGCCTCAAACGA
GTTCCAATCCTCCAACAAGAATAAGTGCCTTCATTGTGATGTGCTAATTTCTGCTTTCTAAAGATGTCAGGGG
GATCAGAACCCGAGGTGAAACGAAAAGCAGTGAATTTAGACCGCGAGAGCTCTGGTTCAGAGTTATTTCC
GCGGTTAGACCTTAAGGTTTGGGTTTCCGTGCGGTTCTGATCAGAGGAGGCCTGCGGAGGGAAGAATGGAG
CCTTATCGGCCTCCATAAATATGCGAATTGAAGGAAGA

>trans_s_2227 NM_105632|Arabidopsis thaliana SBH1 (SPHINGOID BASE HYDROXYLASE 1);
catalytic/ sphingosine hydroxylase (SBH1) mRNA, complete cds

ATTTTAATTTTTTTCTTAAAAAAAACGACGTAGTTTGATTCTTCTCGATCTCCATCCTCTCTCTTCCATGATTG
TACCACTCCACAGATTTTCTTTGTTTTTCTGTAAACCTAACTCGAATCCTTTTTTCATTTTCTTCTTTCTG
TGATTTTGATTCTTGGTGTTAGTTTGTTCGTTTCTTTCTTCTTGTAGAAAGGCTAGTGTAGGAAGGTGATC
CCTTGTTCTCCTTTCCATCATAGGAATTGGATTGGGATTCCCTTCTGCTCTTTCTTAACCTGCCGAAAAC
GTACGTGAGCTGAGATTTGGGTTTTTGGTTCCTAATGCAATTCGGCTGCTTTTGGGGTTTAGTATTTGATCTTT
TCTAGTTCTTTTCCAAGATGGGTATTGTAATCTCTGATCAAATTTGGGTACTTTGTACCAATTGTGGTTTATT
GGCTATATTCTGGGCTTTATATTCTTCTTGGCTCATTTGAGAACTACCGATTACACTCTAAGAAAGATGAGCTG
GAGAAGAACTTAGTGTCTAAAAGCACTGTGGTTAGAGGCGTTTTCTTCAACAGATTATTCAGGCAATCGTTG
CAATCCTCTGTTTAAAGGTAAGTGAAGTATGAGGAGGTTGCTACAGGTCCAAATCTTGGCTAACAATCGC
AGTTCAGTTTATTGTGGCGATGCTCGTGTGGACACTGGCAATATTTTATTATAGATACATGCATCAGAACA
AGTTTCTATACAAGCACGTCCATTCCAGCATCACCGTTTGGTTGTACCTTATGCATTTGGAGCTTTATACAATC

ATCCGTTGGAGGGTCTTCTCCTTGACACAATCGGCGGGGCTTTATCTTTTCTGTTTCTGGGATGTCGCCTCGA
GTTGCCATCTTTTTCTTTTTCTTTT

>trans_s_2228 NM_001053127|Oryza sativa Japonica Group Os02g0290600 (Os02g0290600)
mRNA, complete cds

ATCCACCAATTAGACTGACTAATGGCAAGGGAAAAACATGTCGTTGTACTCGATCATCGCATGGGAAGTTTTGT
CGACATTCATGATTCACCTGATTGATTCGCCCCGAGGGTGTTGCTCTGTTCCCTTGAAAGATGGAAGTGTCATTTTGC
CCATTTATGAGCAAACACTTGCGATTCCAAGGATTGAAAGGCTTCATCTTGAGCCTCCAGAGATGGTTGAGGT
ACAGGCCTGTGATGGGACATTGCTTTATGGAGCTTTATACAAGCCTAGTGAGACGATATTTGGACCCCCGCCG
TACAAAACATGATCATTGTGTATGGTGGTCCAAGTGTAACACTAGTCTCTGATTCATGGATCAATACGGTTCGA
CATGAGAGCTCAGTATCTGCGTAGCAGAGGAATCTTAGTGTTGGAAGTTAGACAACCGAGGAACCGCTCGACG
CGGACTGAAGTTTGAAGCTGCTCTGAAATACAATATCGGCTATATTGATGCAGACGATCAATTGGTTGGAGCA
AAATGGCTGATCAGACAGGGTCTAGCAAGAGCTGGAGAGATTGTTTATATGGATGGAGCTATGGTGGCTTT
CTGTCAGCAATGAGCTTAGCCCGGTATCCAGATATCTCCGATGTGCAGTATCAGGTGCCCCGTCACCTTCTTG
GGATGGCTACGACACTTTCTATACAGAAAAGTACATGGGATTACCAACACGGGATCCAGAAGTTTATGAGCG
AAGCTCAGTGATTTATCATATAGAGAAGATGACTGGGAGTCTGCTGATTGTTTCATGGGATGATTGATGAGAAC
GTACACTTCAGGCATACAGCAAGGCTTGTGAATGCACTCATATCGGCTGGAAAGAAGTATGAGCTACTGATAT
TCCCGGACGAACGACACATGCCTCGACAGCATCGAGATCGGATCTAC

>trans_s_2229 AY106422|Zea mays PCO067418 mRNA sequence

AGAATAACAAAACAGGGTTGTTCCGCTTTACCTCAAATAGCAACAAAGAAGAAGAAGAAGACGATTAGA
AGAGAAAGATGGAAGCGAAGGTCAGCAAATTCCTAGGCTCCGTTTCCAATTTCTTCTCCGGCGGCGATCACAT
ACCATGGTGCGATCGCGACGTCGTTGCCGGTTGCGAAAGAGAGGCTGCTGAGGCCGAAAAGAGCTCATCTG
GTGAGCTTTTGAAGGAAAGCATTATGCGTTTATCTTGGGCACTTGTTTCATTCAAGGCAACCTGAAGATGTACA
CCGTGGAATTGCAATGCTCGAAGCTGCAATATCTGGTGACGATAGCCCACTGAAGATGAGAGAGAAGCTTTA
CCTTCTTGCTGTTGGGTATTTTCTAGAAGCGGTGATTACTCTAGGAGTAGGGAGCTTGTAGAAGAATGCTTAACA
ATTGCTCCCGACTGGAGACAGGCAATGACACTGAAGAAATCAATCGAAGATCGGATCACTAAAGATGGTGTG
ATCGGCATCGGCATTGCGGCAACTGCTGTAGGACTGCTTGCGGGTGGAATTGCTGCTGCTGTTTCCAGGAAG
AAGTGAGTCCCAATTACTTGTTTTGTATATAAGAAATCACTCTGATCAAGCCCAGTTTTAGAGTTGCTATACTT
GAGAACTTTAAGATGTAGAATGATGCTATTTAGCTATTACTAATGTTTGTCTGTTATATTGATCTATTTTCATAT
TTGTTTAAATATTGTGTTTTACGTACGTTATCTTGCAATTTGTAGTCTATTTGAGATTATACATATTCTTTCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAGGGCCCCCCCCGCCCTCAAAAACCTTATCAATCCCGCCAACCCCA

>trans_s_2230 AL161596|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 92

TAAATAAAAAATAAAAAATCACCCGGCGCTACAACACACTCCTCGTCTCTTCTGGCCTGTTTCCATCGGCTG
AAAACCATGTATGCTGCGAACCGCTGTAGATTTCGGGAACGTTTCGGACAAAATTGAACCAAAAAATCAATACA
ACAATGTTAGGGTTTCTCACAATCCCACACCAATTGAAGATTTCCCATCTCTCGCATCTCTCCCTTCAATCTCGT
CACCTTCTTCCCTCTTCTTCCACTCTACAAATTCCTCTCCATCACACATTTTCAACTCCAAATTTCTAATTTCC
AGTAACCGCAGAAGATTCACAGCGTCTGCGAGCAACAAGAACACCGAATTCGGCGGAAGTATAAAGGAAAG
AGAAGGAGAAAGAAATGGGGCAAAGAGCTCCTTAATGGCGGCGATGACTTGAAGAAAGAACGAGGGCCG
GTTTTCAATATCAAATGGGCTGAACCTTTGATCGACCCAGATCCTGATAACATCTTGCCGTTGCGTTGACTGG
TTTGCTTGCTGGGCAAGTGTGCAGTTTTGTGGCAGCTATTCTTCATCTCTTGGCTATTTAGTGGCTGCTCT
TAAGTATTCTTTTATTGCCGCGCTTCTATTTTCATTCTAATTACTTTACTTTAGAAGTGCAACAACATTCTGTAT

AGTCCCTTCACTTTTATGCTTGATTAATTGGATTTCATCGAAATTCATGGCTTCGGTGTATAAATGTGTTTGT
CTAGCCTTAAAAGAAGGCTAAACTACAAATACAGTAGGTTTATGTTATGTCCAGAATTTGGTACCCCTTAGTCA
AGAGCATATGCATTAACGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAA

>trans_s_2231 M88254|Hevea brasiliensis ethylene-inducible protein (ER1) mRNA, complete cds

TCACCTCCTTCTCCTTCTTTACCTTTTCACTGCGGCTGATTCTTCTTCGCCTTTATTCTCTCGTACGCCGCCATA
TTCTTCACTTCTTTTTCCGGCGACAATGGCAGGATCCGGTGTGTAGCGGTGTACGGTAACGGAGCTCTCACG
GAGACGAAACAATCCCCCTTCTGTGAAAGTTGGATTGGCTCAAATGCTCCGCGGCGGTGTAATTATGGACG
TCGTCAACGCAGAGCAGGCTCGTGTGCGCCGAAGAGGCTGGAGCTTGCGCCGTCATGGCTCTTGAAAGAGTTC
CTGCAGACATCCGAGCCCAAGGCGGTGTCGCCAGAATGAGTGACCCACAACATCAAGGAAATCAAACAAG
CTGTTACGATTCCGGTCATGGCGAAGGCTCGAATCGGTCAATTCGTTGAAGCTCAGATTCTCGAGGCCATTGG
TATTGATTATGTGGATGAGAGCGAAGTTCTTACTCTCGCTGATGAAGAAAACCACATCAACAAGCACAACCTC
CGCATTCTTTTGTCTGTGGCTGCCGTAACCTCGGTGAGGCGCTGCGGCGTATTCTGTGAAGGGGCGGCAATG
ATCAGAACCAAGGGTGAGGCCGGTACCGGCAATATCATTGAGGCTGTGCGACACGTGCGGTCTGTGATGGG
GGATATCAGGTTGTTGAGGAACATGGACGACGATGAGGTCTTTACCTTCGCCAAAAAGATCGCTGCGCCATAT
GATTTGGTGCTGCAGACGAAGCAGCTCGGCAGGCTTCCGGTGGTTCAATTTGCCGCTGGTGGTGTAGCCACG
CCGGCAGATGCAGCGCTGATGATGCAGCTCGGTTGTGACGGTGTATTCTGTCGGCTCTGGTGTGTTCAAGAGC
GGCGACCCAGCGAGGCGGGCCAGAGCGATTGTTCAAGGCTGTTACTCATT

>trans_s_2232 FN395072|Malus domestica partial mRNA for 1,3-beta-glucan synthase (cals2 gene),
cultivar Florina

GAGTCTTGGTGGGAAAAGGAACACGAGCATCTAAATTCTCCGAAAGCGTGGGATCTTCGTTGAGATATTA
CTGTCAATACGGTTTTTTCATCTTTCAGTATGGACTAGTATATCACCTGAAAATAATAGAGTCCCAGAGTTTTCTG
GTTTATGGCCTTTCTTGGGTTGTGATCATTTCAATATTGCTCCTGATGAAGGCGGTATCCGTTGGACGACGTAA
ATTCAGTGCAAGCTTTCAGTTGTTATTTAGGCTGGCTGAGGGTTTTATTTTCATCATCTGTGTGGCTGGCTTCAT
TACTTTAGTTGCAATACCTCATATGACAATCAGGGACATCACACTTTCGATTCTTGCCCTTCTACCGACGGGATG
GGGACTGCTCTTGATTGCTCAAGCTTGTAAGCCCTTAATTCATCAAACCTCATTATGGGGATCTGTTCTGTCCT
TGGCTCGAAGTTACGAAATCGTGATGGGATTGCTTCTGTTTACACCTATAGCATTCTGGCTTGGTTTCCATTT
GTTTCAGAGTTCCAAACACGAATGCTGTTCAACCAAGCATTGAGCAGAGGTTTGCAAATTTCTCGTATTCTTGG
GGGGCCTAGAAAAAGGAAAAGAGTTCAACCACAGACAAAGAGTAAATATTCACAAACAATACAAAGATAAA
GATGGCCACAATTCTGAAGTGTAGATATTGTTATTGTAATACCGTTATTTCTCTGGCTTTCTATATTTATGGC
TTGCTTTCTCTCATTGAGATGATTATTATACTGAAGATGGTGGGTCAATTTGTTCAAATTACCATTTGCCATCTGA
TCGTATGTAGAGTCGTCATTTAGTGTGAATACACTATACATATATTTATTGCATTCGGTTGTGAATTATAAGG
ATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2233 NM_105232|Arabidopsis thaliana FRA3 (FRAGILE FIBER3); inositol or
phosphatidylinositol phosphatase (FRA3) mRNA, complete cds

TACAAATGAATGTCAGAAAAGTGACACACTATTTAAAATACTTTGCTAATGTCAGACTACTATTCGAGTGAATG
GCAAAGCGACTAGTAATTATAATCTTAGAGGTTCTTTGGCTTTACACGATGGCTTGAGGTCTCGCCTGCAACT
GGAATTATCAAACCTAACCAATTGTTGAGGTCTCAATTTGTCTTGAAGAATCCCACATGTCAGAAGGATTGG
TGATGGTCATCCACAAAACCTCATGGTGTGAAGTCACCAGAGATAAAGAGGTTATTTTGCTTGTTAAGGTGTAC
GGAACCTTTTCTAGTAAGTCAAAGAATCATCGTATTCGTGTGCGCCATTGTGTTTCTCTAAGACAGAAGGAAC
TGGTACCAAAACGAACAACCTCTACCCAAATTCATGGAAGCGTCTTCAACGATCCGATATTCAGTGTCTCAGCA

TGTCCAGCGATGTGGTTGACCATCTAAGAAATTTGCATACCCCTTGACTGCAGCCAAGATTGTGTGGGAAATC
ATGCTTTTGGTCTTTAACAGATCCCAATTCTTCCAGCTTCTTTAATGTACATACCTGAGGCCATTTTGTATCAAA
ACTCGTACTGCTTTGATTTGTGTCAATAGTGTTTCATTCAATAACGATATCCATTTTTTGAGATTTTCAACCTGATT
TCAAGACAGGTCCATCTCTAGGTGGTTGTTGATAAGTGATTACAAAATTTATAGATGAAAGTTGTCATACAG
AAACAGCAGCAGAGTAGAGGAGGCAGTTTTATTTGTTCTTAAATGTTATTATCCCAACTACAGTGAAACAATT
ATGTTTGTGGATTTGGTTTTGACGAGGCTGAGTTTTGGTTCCTTGAACAACTTTGTACGTGCTGAAAAATATGT
TTGCAACTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2234 AY105116|Zea mays PCO136039 mRNA sequence

TGCGAGAGTCGGGTCCGACCAGGGTATTTTGCACAAGACAGCAACCTCCGTGGCTCTCTGTTTGTACCACCAA
AATCCTCAGCAGTTCCAAAAAAAAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAATTCAAACA
AAAATGTCGTCTGTTGGAACTTTTCAACTACTACTACCTCCATTTCTTCTCCTCCTCCTCTTTTACCAATAA
AACCTTTCTCTCTGCTCTCTCCCTTCCCCACTTCGCCTCGGCAGCGCCACGCCACCACCTTAATCACAGTTTG
CAACATCTCCATCCAATTTCAAATCTGGACGGAATTCAGATCCTTCCGCTGCCTCTCGGGATTGTCTCCTGAG
CTAAAAACAACAATCGACAAAGTCATTACATCGGAGAAAGTTGTTCTGTTTATGAAGGGATCTAAAGACTTCC
CACAATGTGGATTTTCCCACTGTAGTGCAAATATTGAAGTCTTTAAATGTGCACTTCGAGACTATAAACATC
CTAGAGAACGAACTATTGAGACAAGGACTGAAGGAGTATTCTAACTGGCCAACCTTTCCTCAGCTGTATATAG
ATGGAGAGTTCTTTGGTGGTTGTGACATAACAGTTGAAGCATACAAAAGCGGAGAATTGCAAGAAGTGTGG
AGAAGGCAATGTGTTCTTGAAGCCCAGGTTTGGCAATCCTTCTTCACTTGATTTTTAATGAAGGAAAGATGTAT
ATCAACATGACATTTATGTTACTCAAGGCCTCATTACAAAGGGTGAAAACCAGTTGCTTGTGTTTGGATGTC
TATTTCTCACCTGGTTAAAGAAAAATAGTCTTGTGAGATTAGGTGAAATGTGTATAAACTGATTTGAACAATA
AAGAAAATAGTGGGCTGGGGGCAATGAAATTGGTCGT

>trans_s_2235 XM_002873638|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata universal stress protein family
protein, mRNA

TTGGTTGCACGACTTCAGACACAAACGTTTTTCTCTCCAAGTTTCTAACCTATCTAATACAACACAAAATTTA
ATGCCACCCCGTGGAATTACGGATTATTGGGAAGACAAAGAAAGAAATTGTGCGGTTGCTCAAACCCCATTA
AAGCATCCACATAGAGCTTGTTCGTATAAGAAACCAATCCACACTACTTACACAACAATGGAGGAAGAAC
CTACTCGAATAATGCTTGCAGTGAATCAATCTACCATCAAAGGCTATCCCATCCTTCCATTAGCAGCAAAAGA
GCCTTTGAGTGGACTCTCAGAAGATCGTCCGCTCCAACACCTCTGGTTTCAAATTCCTCTCCTCCATGTCCTT
GTCCCTGACGAAGACGGTTTTGATGAGGTAGATAGTATCTTGCATCACCTGATGATTTTAAAGAGTTGAAGA
AAAGGGACAACGCAAGAGGGGCTTCTACTGGAGTACTTTGTCAATAGATGCCACGAAATTGGGGTTGCTT
GTGAAGCTTGGCTTAAGAAAGGCGATCCAAGTGAAGTAATTTGCCTAGAGGTGAAACGTGTTCTACCCGATTT
TCTAGTTGTTGGAAGCAGGGGACTTGGCCCATTCAAAAAGTTTTTGTGGGCACTGTTAGTGAATTCTGCGCA
AAACATGCTGAGTGCCCCGTCATCACAATTAACGCAGGGAGGACGAGACACCCGATGATCCTGTGACGAC
TGACCTTCAGCCGTTAAACTTATGACATATTTGATTTTCGTTTCATCCTGTTGTTTATAAATAAGAACTTTTG
GTGAGTGTCTTGTGTATCAAGTGTGTAAGTTGCCAATTCGTCATTGATTTGTACTTGTTCTGTGGTTTGTTA
AATATACAGTCAACCATTGTTTGCTCGATTGATTGATGAC

>trans_s_2236 NM_001055023|Oryza sativa Japonica Group Os02g0814000 (Os02g0814000)
mRNA, complete cds

ACGTTTAGTATTTTCTAGCAAACGCATCGCCTCCGTTTCTCTACCATTCTCAGATCATCCGTCTCTTATTGTCGGT
TGCTTCCTTGAGCAATTGAAGAAAATAAGAGTAACTGTTGATCAATTTTTTGAGCTATGGCTGAGGAGGGTCA
CAAAGTCACTTTGAATGTTTATGACTCGAGCCAAGGTCTAGCCCGACAACCTTCCACTACTTTCCTTGGGAGAC

CTATCGAGGCCATATGGCACACAGGAATTGTTGTGTATGGCAATGAATACTACTTTGGTGGAGGTATTCAACA
TGATCCTGCTGGAAAACTCCATATGGGAAACCAATGCGGTGATAGATTTAGGAACAACTCACGTGCCCAAG
GACGTTTTTGAGATGTACTTGGAGGAGATCAGCCCGCGTTACACAGCCGAAACCTATAGTTTACTCTCACATA
ATTGCAACAACTTCAGTAATGAAGTTGCACAATTTTTGGTTGGTGCAACCATTCTGATTACATTCTTGACCTCC
CTAACATAGTTATGAGCAGTCCAATGGGTGCCTTCATATTGCCCATGATTCAAATTTGGAAGCTACATTGAAG
GCAGGTGCAGTTCCGATGGCCCCCAGTTCAATCCTGCTTCAACTAACGTCCCTAGATCATCATCATTGGTCTC
GAATAGCTCTAGGACTCGGTCAAAGCCAGAGGTAGATCATGCCAAGCCTTTTGAGAAGACAACCCCTGCAGA
ACTGCAGACATCTAAGCAAAAGGGGATTGCCGACCCACTAGGGGATGCTCGTAGCAAGGTGCAGGAAGAGA
TCGGCCGGGAATTTGCAGCAATCATGGCAACGGGGACACTGCGTGCGAGTGAAGCGGCAGCATTGGCAAC
AAAAAAGTGATGCAGAAGTATGGAAATGCTACTCTATCTCAGGG

>trans_s_2237 EF614285|Malus x domestica cytochrome b5 (CYB5) mRNA, complete cds

TGCTTTGTAGTCAAATATAGAAGACAAGAAGACCTTACTGATTTCATTTTCGCGTTTCTTCATTTTTCTTTCAGTCT
TTAGTCTGTAAGAAAGCCAACCTTCTGTATCTTCAATCATCGATTCTTAAGGATTTCATTTTCTCGTTTCTTCATT
TTCTTTCAATCTTTAATCTTTGATGGCTTCGGATCCTAAGCTTTTCGTCTTCGATGAAGTGGCTAAACATAATCA
CCAGGGGGATTGTTGGCTTATAATCTCTGGAAAGGTTTATGATGTCACCCCTTTTCTGGAAGATCATCCAGGA
GGTGATGAAGTCTTGTTATTAGCTACTGAGAAAGATGCAACCGAAGACTTTGAGACTGTGGGTACAGTTTAT
CTGCAACAGAGGAAATGGAAAAATATTATATTGGCAATATCGACATGTCTACAGTTCCAAAGGTTGATTATCG
ACCACCTGCATCCAAATCAGCATCGACAGAAACCAAGCAGCAGCAGAAACAACATCGTCGAATCAATCTTCA
GGATCTTTGATAAAAGTGTTGCAACTTTTGATTCTTTGCTGATTATAGTTGTTGCATTTTATCTGCAATACTAT
GGTAAAAAGCAGTAATCGAAATCTCAAATCATGGATGCCTTGAGTTTTGCAATAAGCCAGAGATAGGTAGAC
ATCTCCTCATCACATTCTGTTAAACACACTCTATCTAGGTTTCTCTGCCCTTTGACTCTTACTAATTTGTGTGTA
GAGAATTTTCATTTGTTTCTTGTTTCATTCAATCCTGCTTTTCTTGCTATTGTTTTACAATATTCAAGTTTCT
GTGCTGATTTAACACACCAGATATATCAGGTTGAAGGTAGATGAAATAATGGGTTGTCTAAATTTGGTCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2238 NM_001065930|Oryza sativa Japonica Group Os07g0291100 (Os07g0291100)
mRNA, complete cds

AAGGCAGTGAAGTCTGATCGATCTTCTCTCATTCTCCATCTTGTTCTTGATTTCTTCCCAATTCTATCGAAGTGAG
CTTCTTCAGCTTTCTACAATTCCAATTTGGTTCGAAGGTAAAAACACATGGGGAGAGAGGTAGCAGAGAGTTGC
GTTGACAGTCTATTGACGGAATGGTTTCCAATTATTGCCATCGATTCTACGCCAATAAGCCGGAGCTAGCCGC
CCGTCGGATCGAGGCAATTGGTTATCAGGTTGGCCATCAGCTCTCCGAACGGTATACGATGGAGCGGCCTCG
GTTCACTAATCATCTTGAAGCAATCAAATTTATCTGCAAGGACTTCTGGTCTGAACTCTTCAAAAAGCAAATAG
ACAACTTGAAAACAAATCATAGAGGCACCTTTGTCTTGCAAGATAATCGATTCCGCTGGCTTACTCGCATGTCG
GTGGATCCTCAAAATGAATCACAAGATAATTCTGCAGATGGTGAAAACAAGGCAGCTCAAGCAACAAGCATG
CATCTATATTTCCCATGCGGAATCATTAGAGGTGCTCTTTCAAATTTGGGAATTCCTTGTCGGGTTTCTGCTGAT
ATTTCAAATCTTCCAGCATGTTCAATTTGTTGTTTCGTATAAAGGCCTGATGAGAAGTGATCAAAAAGTAGAGAT
TTTATCTTTGGGATATGAAGACATGATAGATCCTTAACACCACTCTCCAGTTGCAATCCTTTCTGTCCTGTTTCC
TTTTTGCTTTCTCTATTCTCTATCTTCTCCTAGTTCATGAACTCTTAGCACAAAAATCTGTTGGACAAACGTT
TGTGTATGTATGAAAGTCAATAGCGATTTCTTTTCAGAATTCATGACTGTAGAGATAGTTGAGGTTTATTTTA
TATTTTACCATTGTTGGGAGGACGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2239 NM_001126005|Arabidopsis thaliana ATBAG2 (ARABIDOPSIS THALIANA BCL-2-
ASSOCIATED ATHANOGENE 2) (ATBAG2) mRNA, complete cds

ATAGAAATTAAATTAAAGGTTGAGCGAAAAATGGTTTCAATTGAAAATCAAAGTCAGAGAGTTTCAGAATTGG
ATATTAGACCTGGAGGAATGTTGGTTCAAAAGAGGGATTTTAATTCAAATCCTTCCTTCCCCACCATTAAAGTT
AAGGTCAAATTTGGCTCTTCTTATCATCATATTCAAATCAACTCCCATGCAAGCTTTGGTGAATTGAAAAAGTT
GTTGGCAGAGCCAACAGGGTTGCACCCAGAAGAGCAAAAGCTAATATACAAAAACAAAGAGAGGAATTCAA
AAGCTTATCTAGATGTGGCAAGAGTTCAAATGGCTCAAAAATTGTGTTGGTTGAAGACATTTTAAGCAAGGA
AAGAAGATGCCTTGAAATTCTTAAAAATCAAAGTTTCAAATATCCTCCAACCTCCTAAAAGAAATAAACTTGG
AAGTCAATAAACTCTTTCAAGAGGTTGGATCCGTTCAATTGAAAGCTTGTAAGATGGGAGAGTTTATGAAAA
AGAAGTGGATGATTTGATTGAATTACTTATGAGAAAATTGATACAATTAGATGAAATTGAAGTCGTGGGAGAT
TTGAGACTACAAAGAAGACAACAGGTGAGAGAAGTTCAAAGCAAATTGAAAGTCTTGACATGATGAAGCTA
CAATATTGTACCACTCTTAATAGCAAAAATGAAATTGGAACTCAAAAAATGGTGGTTTTATTCAACTATAAA
GGCAAAGCAAAATTTGAAGCCAAAGCAGCAATGTTTGAGAGTACTGAAGGAAGCTCCAAGGAATTCTGAACC
TGTGGTGGTGACAATAATGGGAACTTTTGATTAACAATAATATCATCATATACTTATAAACTGCAAAAAAA
TATATGTTAATAACATTCCACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2240 NM_102563|Arabidopsis thaliana DPL1; carboxy-lyase/ catalytic/ pyridoxal
phosphate binding (DPL1) mRNA, complete cds

TTCTTCTCGATATGAACAACATAATGATTTTCTCGTTTTCTTCATCATCATTTTCATCTTCATCTCCATCCACTCT
CTCGCAAGTGTTTCTCTGTTCCACGCTATCTTCTAATTCGCTCTTCTTATTTTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCTTCCC
TTTGCACTAAGCTTTTGTATCACTTTCGCCATGGATTCTTCTCAACTCGGTTTTGGTGGAAATATAGAGCCTCT
GCCAATGCTTTCCTGTCCAAATACGAGCCACTGGCTCTCGTTTTTGGTCTCTTTTGGTCTCTACTATTGGCTCGG
CTGCTTCAGTCATTTCTGGATCTTGTTTACGAAGCAGGACTTAAAGCTACCTTCTTATCGTTCTTCATGGCTACG
ATTAAGTTAATTCCTGGGGTGAAACGTCGGATCGATTCTGAGAAGCAGAAGGTTGTGGAAAAATTACAATCC
GGCGGTAATCTAAAAGAGAAAGTTGGAGGACTGAGTTGCCAATGGCCGGCCTGGGAACTGAAGTCATTGA
GAAAATGAAAATGAGAAACAAAAAGATGTGGTTTGGCAAGGAAAATGCTCGGGTACAGTCTACATTGGAG
GATCTGAATCTGAAGGTCATTTTTCTCTCATAAACGAGGCATGTTCAATGTTTGCACATACAAATCCTTTACATT
TGGATGTATTTCAAAGTGTGGTGCAGTTTGAAGCTGAAGTAGTGGCCATGACTGCTGCTCTTCTTGGCAGTAA
AGTGGAGGCTTCTGGAGGGCAAATCTGTGGAACATGACATCAGGAGGAACTGAAAGCATACTGTTGGCTGT
GAAGTCAACACGTGACTATATGAAATCCAAAAGGGAAATAAAAAAACCTGAAATGATAATACCTGAGTCTG
CACATTCAGCATATGATAAGGCTGCTCACTATTTTA

>trans_s_2241 AF073830|Solanum tuberosum fructose-6-phosphate 2-kinase/fructose-2,6-
bisphosphatase (F2KP1) mRNA, partial cds

ACGTAATGAGGTAGCAGCTTTAGCTATGGAGGATATGATATCTTGGATGCAAGAAGGTGGCCAGGTTGGAAT
ATTTGATGCCACAAACAGTACCAGGAAAAGGAGAAATATGTTGATGAAATTGGCTGAAGGAAAATGCCGGGT
ACAAGGATCATAATTGAAAATAGCAGAAAGAGTTTCAGAAATATTTAGTTATTTTCATTCTTCATCTTTCAACTG
CAGATAATTTTTCTGGAAACCTATGCAATGATCAACGCATCATTGAAAGGAATATACGTCTTAAAAATACAACAA
AGCCCCGATTATGCAGAAGAGCCAGATTTTGAGGCTGGATATCGAGACTTCAAAGCTCGACTAGACAACATG
AAAAGGTTTATGAACCTGTTGAAGAGGGGTCTTACATTAATAATGATTGACATGGTTAGTGGCCATGGAGGAC
AGATCCAAGTCAATAACATCAGTGGTTATCTCCCGGGCGAATTGTCTTTTTCTTGGTGAATACCCATCTCACG
CCACGGCCGATACTGCTTACTAGGCATGGAGAGAGTATGGATAACGTTAGAGGCAGGATTGGAGGTGACACC
GAATTAAGTGAGGCTGGAGAAGTTTACTCTAAGAAGCTTGCCAACTTTGTTGAAAAGCGATTGAAGTCCGAAC
GTGCTGCCTCTATTTTGGACCAGCACACTTCAGCGAACCATTTTGACCGCAAGTCCTATTGGTGGATTCCCTAA
GATTCAATGGCGTGCCTTGATGAGATATATGCTGGAGTTTGTGATGGAATGACATATGAAGAGATAAAGAA

AAACATGCCAGAGGAATACGAGGCACGTAAGAAGGACAAATTGAGATATAGATATCCTCGTGGAGAATCGTA
TTTGGATGTTATCCAAAGGCTTGAACCAAGTAATTATCGAGCTTGAAAG

>trans_s_2242 AY107920|Zea mays PCO093798 mRNA sequence

TTTGGTGGAGATATCTAAGGGTGGTGGAGAAATAGAACTGGGAGAAGGAAAGTAGGGATTTGAAGATTGTG
AGAGGCAGCGCAGCGATAGCCGAGCGGAGTTGGCGAAGGCAGAGCGAAGAAAACTCGGAAAAATGGCGT
TCACAGTTCGAGGTTTGAAGGTTCCGCCGAACCTCCGCGAGTCTTGAAGAAGCCCGGAATCGGGTCTTCGATTT
CTTCAGATCAGCATGTAGATCATTGCCAGCAATCATGGACATTTACAACCTGGATGATGTCACTACTGTTTCTC
AACTCCGTTTACCATCGCTCTGAGATCCGCAAGAATTCTCACGTCACTGACCCTAAGGTGATTGATATGCTT
CTTTTCAAGGGAATGGAAGAGCTTGGTAACATTACTGAGCATGCGAAGCAACGGCATCACATCATTGGTCAGT
ATGTGGTTGGTCGCGAAGGACTTGTGCAAGATTTTGGCGCCAAGGATCAAGGCATGTCCAATTTTCTCAAAAA
CTTCTACAGAAGTAACACTTCTGAACCTCATCTTCTGGAATTATCCAGTGGAATATGATATCCATAGTTTT
AATTTGTGATCTTGAGTAATAATGAAGGAACATACTGTCTCTAGACCATGACATTATTTGATCGTTTTGTG
GGATTGAATTGTTGGTATATTATAACCAAAGCAATCCAAGATCTTGTCTATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAATGGTGTCTACTCTATGCTTTGGTTCCAGATGGTGCTTCTCGGTTTCGATTGGCTTCATTC
ATCACTGCCATTTGTATAAGTTCTATACATTATATAACTTGAAAAGGGACTGTGGTCTCTATTTATATATAGAGA
GAGAAAAGTAGAACGAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2243 AF520582|Cucurbita argyrosperma subsp. sororia phloem lectin (PP2) mRNA,
complete cds

GAATTCACATCTCCACTTCTACTAACAGAAAAAACAGAACTTGACAAAATGTGTGATAAAGGGTCAGTAG
CAAAAGAAAAATTAGGAGCAGAAAGTGAAGTATGGTCATTGCTTAGAAGTTATATGTAAAGATGCAGACGTGC
AACTTCATTGGCCTTCCTTTGATGAACCTTATGCTCAAGTCTCTCATGGAATCATATTGCACGATGGATGTAAG
AAGTATAAGCTTGATAAGAATACAACTGTAAGTGGTGGCTTGTGGGTCCAAAATGCTTATCAATAGCATGGA
TTGACGATACTCGGTAAGTGGAGATGGATAACCATCAATGAATCTGGGGAAACATGGTTTGTGGCGGAGCTTCT
ACAAGTATCTTGGTTTGATATGCGTGCGAAAATAAGTGCAACTGCGCTGTCATCAAGAGTTGTGTATGATGCA
ATATTTATAATAATGTTAGCCGATAGAGCTTCAGGATGGGAAGTTCCTGTGAGCATAGAACTGAAGAGGCCA
AATGGGTGCAAGATAGAAAGCAAAGTAAGTCTGCAAGGTGTGAAACGAGGAGAATGGGTGGAGATTGTGGT
TGGTGATTTTCATCGTCGATAATTGTAGCTGTGAGAGTGGTGGTGAGATAGAGTTAGCATGTATCAACATGGT
GGGCATTGGAAGAGGGGACTTCATTGCAAGGTGTTGAGTTTCGACCTCGTGGATCCTGTGTTGCATGAAAA
TCATGATCATCTATCAAATATATGAAGATATATATAATCATATATTATGTCATAAATAATATCCCTTTTTGCTTAT
AAGCAACAAAGGCTGAGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2244 U66277|Cucurbita maxima phloem filament protein (PP1) gene, complete cds

GGATCACAACTCTCTCTTAGCAAACATAAATATCAAAGAAGTGAAAGGAAGATGAGTTGCGAGACAA
AGAAAGAGCAGTGGATCCAAATCCATGATACAACAACACCTTGTGTGATTAATTTTGGAAAACATGCTGTGGA
TGACCACAACAAAGAAAAAGGAGATAACCTTGTATTCAAAAAGGTTATAATCGGATGGTATTTGGAGATAGA
TTATAATAAAACAAAGCTTCGTCTTATTATTGAAGTAGTAAACAGTAAGGGAGAAGTAATAACATTCGAAGTA
GTTATTGTGGTAGATGATAAAGATGGAAAAACAGTGAAGACAGTCATTTCAATTTGTTCTGGGCATATAGATG
AGAAGAATCCATGGACATTTTGGATTAAATTCATAATGTTACCGAGCCTCATGTGCAAGAAATTGCAAGTT
TGCAGTGGAAGAGCATAACAAGATTACTCATGACAATCTTATATACATTTGCATCATTGAAGGCTGGTATCAT
GTGTCGACTATTCCACCTGTTACACTATGGAACTTCATCTTAAGGCCAAGGATTGCTTGGGACGTGTGCGGG
AGTACGAAGCTTTGGTCAAAGAAGAGAACTGCTGCCTAAGCACGTTCTGAACTTGAACATTTCATAGTTAT

ACCAAAGATATGTTGAAAACCTTGCTACATATGTGGGTTCTTTTATGTTATGTGACGCCCTTGACTATAACTATAC
ATAAATAGTCAAGTGCCTTAATAAAAATAAGCTTTTTAAAATATATATTACCACTACAAGAAAAGAAGGTATTA
TAGCGGCTTATAATTTAGTCTATAGTAATGGATTATAAACGTTGCCACATCTATAGCAGCGGTCTAGTAACTGC
TGACACAAGCAGTGTTGAGAGCTCATTTGCAATGATTTATTTAT

>trans_s_2245 NM_116362|Arabidopsis thaliana ATSTE24; endopeptidase/ metalloendopeptidase
(ATSTE24) mRNA, complete cds

TACACTTTTGCAATTTGGAGGATATACTTTGGTGAGGAATTCCAGTGATTTGTTTCGAAGTTTTGGGTTTGATA
CTCAGCCAGTGCTTATTGGGCTCATCATATTTCAGCACACTGTAATACCTCTCCAGCATCTAGTAAGCTTTGCTC
TCAACCTTGCGAGCCGATCTTTTGAGTTTCAGGCCGATGCCTTTGCACAGAACTTGTTTATTCTGCTCCTCTTC
GTGCTGGTCTTGTCAAACACTACAGGAGGAGAATTTGTCGGCAATGAATACAGATCCCTGGTATTCCGCATATCA
TTATTCCCATCCTCCACTTGTTGAAAGATTGGCTGCACTCGACCTAGCAGATAAGAAGGAAGAATGATACCAA
TCTTCGGTCCTAATATCTCGTACCTAGCAGGTGGATTGACGTTCTATTACGCTACCTGATTGACTTTTTTTGGTG
GGAGGGGTGNGGGAGAAAGAAATACTAGAGAAGCAAGCCCCCAAAGGAAAAAAGTCATCCATGTTTGTTCT
AGTTTTACACAAAGGAAAAAAGAACAAGAAAAAAGTTGTTTCTCTCTTTCTTTGCTTGTTATTGACCTGCTGT
GAAGGAAACGAGAGGTGAACATACTAAGGTCATGTTATCATTCTGTATGAACCTCGATCAGACCCTTCTTT
GCAAAACAATCATGAGCTAGAATTATGTTTTGTTTTCTTTTTCTTTTAAGAAAAGTGAATTCTGCTGACAAT
AGTGAGAGAGATTCAATGCAATTTTGTTAATTTTCGGGTTGCATTCTCTCTTTCTTAATCCTACATTGGAATAGG
AAGTGGAAGTGAGTTTGAGTCATCCAAGCTCGTTAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2246 DQ393831|Cucumis melo cultivar Vedrantais eukaryotic translation initiation factor
4E mRNA, complete cds

AGGGCGGTGCCATTCTTCTCGGTTCCCTTCCATTGATTGATTCTTCAGATAACTCTCCATTCCACAAAG
CACTGAAAACCCAAAATGGTAGTTGAAGATTCGATGAAAGCTACATCGGCGGAAGATCTTTCTAATTCCATTG
CTAATCAAAACCTAGAGGACGTGGCGGTGACGAAGATGAGGAACTTGAGGAAGGTGAGATCGTCGGCGAC
GACGACCTCGACTCCTCAATTTGTCCGCGTCCCTAGTGCATCAGCCTCACCTCTGGAGCACTCTTGACCTTT
TGGTTCGATAACCCATCTGCCAAATCCAAGCAAGCCACCTGGGGTGCGTCTATTCGACCGATCTATACCTTCTC
TACCGTCGAGGAGTTCTGGAGTGTTACAACAACATTCATCATCCAAGCAAATTGGCGATGAGGGCAGATTTG
TACTGCTTCAAACATAAAATTGAGCCTAAATGGGAAGATCCCGTTTGCTAATGGAGGGAAATGGACTGTGA
ACTTTCCAAGGGGAAAATCTGATAATGGCTGGTTGTACACGCTGCTTGCTATGATCGGAGAACAGTTTGACTG
TGGTGATGAAATTTGTGGAGCAGTTGTTAATGTTAGGTCTGGGCAGGATAAAATATCAATTTGGACGAAGAA
TGCTTCCAATGAAGCTGCGCAGGCGAGCATTGAAAACAGTGAAAGAGTTTCTTGATTACAATGAGAGCAT
TGGCTTTATATTCCACGATGACGCAAAGAAATTCGATAGACATGCGAAGAATAAATATATGGTGTGATCTGTA
CGGTTTCTAGTGCGTGGCGTGGGAGGAGGATAACTCGTCTATTCTGTGCAAAGCATGCTGCTGCATCTCGGCA
TGTAAGGTTGAGCTGTGGCTAGTGGGTACTACTTTAGTTTCCAC

>trans_s_2247 AF411075|Glycine max homo-phytochelatin synthase (PCS1) mRNA, complete cds

ACCGTCTATTCTTTACACTCTGAGTTGTCAGCATGACGGTTGGAATAATGTTATAAAATACTTAACGGAAGAAG
TTCCTTTACTCCTGAAAACCTGAAAATGTGAAAAGTGTAGAGGAATTACTCTCTGTAGTATTTAAATCCCACCTC
AAAATCTCAAGAACTTTATCAAGTGGGTTGCAGAAGTTCCGGGAGCAAGAGGATGGGAATGTAAACTAAATG
CAGAGGAGAAAGGAAGACTGGCTGTCAAGGAAGAGATATTGGAACAACCTACGAGCGACTGAACTCTTCAA
CATATCAAACAGTGGTTGGCATCTGGGACTCTATGTGAAGGCTTCGAATCTTTGTTTGACAGAGATGAATTAC
ACGGAATTGCTGCAACGGTTTGTTGTCAAGGGGCAGAACTTTAGCTGCAAAACCTTGCTCAGCTGATCGACG

>trans_s_2248 DQ191636|Solanum tuberosum 40S ribosomal protein S7-like protein mRNA, complete cds

>trans_s_2249 AY106451|Zea mays PCO082226 mRNA sequence

>trans_s_2250 NM_001059878|Oryza sativa Japonica Group Os04g0523000 (Os04g0523000)
mRNA, complete cds

ATAGTTCTATCATCTCACATCTCCATACATAGTCACAGAGTTTGCATAAGCTTCGCTCTCAGTACTCCAATGGCG
AAATTAATCCCAATCTCACTCTCAAACCTCACTAATCGCATCCATTTCTCTTCTCTCCCCTTACAATCTCCTTCCA
ATCCTTCAATACCACACCCAATTGTTCTAAAAACGCCAAAAACATAAGCAGAAGGCTAGGGTTAGGATTTCATA

GCTTTAATGGCGTCGTCAGTAACTGCGATACCGGCAGAAAGTGGCGAATGCTTTAAATCTGAAATTGATCGCGC
CGGAGCAGAGCTTAGACGAAGCTGAGCGCGGAATCAGAGGCCACGCGGAAGCGCTTTTGCAGGCGAGAAGC
TTAATGGAATCGGAAGCTTGGAACGAAGCTCAGAAGCGGGTGAGAAGCACTTCGGCGCTGCTTAAACAAGAT
CTGTACACTATAATTGAATACAAACCGCCGGCGGAGAGGCCTGCTCTTAGGAACTCTATTCTCTTCTTCAA
CAACGTTACGCGAATGGATTATGCGGCGAGAGATAAAGATGCAGGAGGAGTTAGGGAGTGCTATAAGAAGA
TGGAGATGGCCATCTCTGATATTTTGTCAAGAATTTAAAAAGATAAGTGAAGGTTTTTGATTCTGATCGATCAA
TTAATTCGATGCAATGAAATCGAAAATTTAGTTTGGTGTCTTCAAATCGGAGGATTCTAGTTCTTGATCAGTA
ATTGTCATAAATTTTGTAGTTGAGTTCCAATATTTTAAATGTGTGTGGCTGAATTTTAGGTTTCCAAAATTATA
GATAGTTATAGATTTTCAATGGTAGATATTTGTTAGTATTTTGAATTTGTGTTTGTTCATAGAATTTTATTCT
GTTGAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2251 EU159405|*Solanum lycopersicum* inositol-1,4,5-triphosphate-5-phosphatase (5PT4)
mRNA, complete cds

ATTTTTCGCCAGATCGCTAAAGATGATGAGTATCCAAATCCACATCATCTCCTCTCACCATCTTAGGACATGA
TCAAATATTTTGGTTTGGGGATCTGAACTATAGGCTGTATTTAGAGGACAGTTTTGCGAGGCAGTTGATTAAG
AAACAAGACTGGGAAGCATTGCAAGGGTTTGATCAGCTACGGAAAGAACAAGAAGCTGGTGGAGTATTTCAA
GGATGGAGAGAAGGGAATATAGAGTTTGGCCCTACTTACAAGTATTCTTCATCAAATTGCAATCGCTATTCAG
GTGGTCCTCTAAGAAGGACAGGAGAGAAGCAAAGAACTCCAGCATGGTGTGACAGAATTCTATGGTATGGA
AAAGGAGTGAGGCAACTCTCGTATTTTCAAGAGTGAGAGTAAGTTCTCTGATCACAGGCCAGTCTCTGCCCAAT
TTTGTAGCACAGATTGACCTGCTGGAACCACAAATCCAAGAGTTATTGCTCTCAGCAAATTTCTTCCCTCCATAC
CTTCTCCCAAACAGACGGAGAAGGGGGAACTAATGAAGAATCAAAATCTACCCTGGCAGCATTGATGGTAA
AGGATAGGGAGGAATCATCACCATGCTTGCGAAATTCATAGAACAAGATATAGAACAATTACAGAGTAAGA
AAGTTACTGGGAGCTCGGGGATTAAGACTGCAGGCTGGGTATGTACGGAAATGAAGTGACTTAAATTATCTT
GGTCTCTTTCAAGTTCACATCAAATTTTTTAAAAAAAAATTCTACACCGTTCATCTGGATTTCTGTTGAACCTTGTA
ATATAAATGTAGACAAAATAGAGAAGAACAAGATAGTCATGCAAAACATTTTGAATCGCTGAGATATTAG
GAGGGTCAGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2252 NM_001035615|*Arabidopsis thaliana* structural constituent of ribosome
(AT3G13882) mRNA, complete cds

TACCCTACGGTTTCTCGCACTTTTGTTCCTCTCCACCCCCACCTTCGCCACAGCGCATACCGCCGCTAACCCAC
CGGGAATTTTCTTTCTTCTCCCTCGCTCTCCAGCGCCACCCACACCAACCTTACATTTTGTTCACACTGCCACG
CCCACCTTTGATTTCTAAGGGTTAGTGAGCTCGTTCTTTTGCTAATGGCGTCCAAACTTCTTATTCGTACGGGAA
ATTCTTTCATGAATCGATTACGATTAAGCTCAGCGCATCAGAATAACAGGATTTGGGGTAGCCAAGCTCTGTCC
CATGGCCATGGCGTTGAAGTCACTCCGATGCTTTTTCTTCACTCTCTAAGCACCAGATTGCTCATCCTTTGCAG
CAGAATGACACCGAATCGTTGAGGCAGCTCCAATCGGAAGGCATTTTCTTCTTTTGGGCTTCCGTCGCTCCG
GTTCTTTCTGCCTGACGGAGATGCTTCTTCAACACAAGAACCGATGCTCTTATTTCTAAAAGGACATTTCAACC
TAGCACCATCAGGCGAAAAAGGAATCATGGTTTTTTGCTCGAAAGCAACCAAGGGAGGACGGAAAGTTAT
TGCTCGAAGGATTGCAAAGGGGCGCTCAAGAATAACTGCATAATATTCATCTCAAGTCATGTCCATTTAAATT
GCCCTGCCAATATCTGGTTGTGTTAGTTTTTAAATTTAAATTAACCTCAATAGAATGGTATCACTGGCTGAAT
AATCCCCCTTTGTGCGTTTTCTTCTTAGGCCTCGGAATACAGTCTGTATAACCTTCCATATTGAAGTTTCAGTT
ACTCTTCATTTTTATTTCTTTCTAACTCAGCTAGAGAATAGTTTACTTTTGGTTCATGGTTGCTGTTGATACTGG
CTCCTGAGCAAAATAACATAAACCCAA

>trans_s_2253 XM_002886123|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* ribosomal protein L6 family protein,
mRNA

ACGCCCCCTTTCTTCAATCTTCAGTTCAGCTTCCTCCCCGTCGGCCGACCATTCTTCGCTCGCCCTTCAAGCCG
GCCGCCCCCCTCCGCCGGTGTCCAGTTGCCCTCTTCGACACTGTTCTGCTCCTTCATCATTTTTTCCGCCTTCCCTG
TTGTCCTCCTTCCCGCCAACACTTTGGATTTGGTGTGAATTTGTTTTCTGACTGCACTTAGGTAAGCAGGAACT
ATAATGGAGGCTAAATTTTTTCGGTTCCTTAAGATTGTGGGAGTTGGGTACAAAGCCAGAGCCGAAGCAGCA
GGACGCCTCTTGATCTTAAACTGGGATACAGTCATGAAGTTGAGCTAACCGTTCACCAGCTGTTCTGTGTCTT
TTGCTTCAAAAACAATGTGGTATGTTGCACAGGGATTGACAAATATAGGGTACACCAATTTGCTGCTGCAGTT
CGTAGCTGTAAGCCACCAGAAGTGTACAAAGGCAAGGGCATCATGTATATCGACGAGGTCATAAAGAGGAAA
CAAGGAAAGAAGTCTAAATAAGATAACAGAAGCACAAAATCCCTCGTTGATCTTTATTAGACACAAAGTGCC
TCAGTTATGAATAATTGTTTTTGTGTATGCATGTTTTAGAGCATTCCATGAATTTAGCCATGCGACTGAACTG
TAATTGCTTCAATGCCTATTCTTCAAATGTCATCTCATCGGTCATTGATGTTGAATGTTGAAGAATGCAGACCA
TGCAAGAAAAGGCTATTTGAGTTGAGCGTTGTCGACCATTAACTTTTTCTTTTTCTTTTCATGTGGGATGGAG
CCTCTGACCACGTTGATCATTGAGGTTCAACTCTCATACACTTGCTTGATTATGAGTAGTAATGCCCTCTTTTC
TTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2254 GU295065 | *Gossypium hirsutum* transaldolase mRNA, complete cds

CCCATTCCAATTCCAAAATGTCATTCTCTTGCAATCTCCGCCATCTGCGACCATTCCCCGTCGCTGTGCGCG
TCGCCCTCCTCCTCTCCTTCCTTCAGAGAAAATTGGGGTTCTCAGCTGGATTATTCACACCCTCATTCTAATTT
CCCATTCCCCTACATCTCTCCTTTAACTTCTGCTTCCTCCGGCTTCTCCTCTCCCTCGACACTGGGTTGACATCT
GAGTTAGACGCTGTTTCTAGCTTCAGTCAGATCGTTCCTGACACCGTCGTTTTTGACGATTCGAGAGGTTTCC
TCCTACTGCTGCTACTGTTAGCTCTTCTCCTTCTGGGCATATGTGGCCTTCCTGATACCATATTTAGAAATGC
GGTTGATATGGCGTTGGCCGATTCTCAATGTTTTGGGCTAGACAACCCCGAATTGAAATATTCCTGTATTTTAA
ACAAGGCTCTAGTAAATGTTGGTGGTGATTTGGCAAACTAGTTCCTGGACGTGTTTCAACTGAGGTGGATGC
GCGTGTTGCGTATGATACGCATGGCATTATCAGAAAGGTGCATGACCTGCTGAAATTGTACAATGAAATCAAT
GTTCTCCTGAGCGGTTGTTGTTCAAAAATCCGGCAACTGGCAGGGTATTGAGGCCTCAAGATTGTTGGAAT
CAGAGGGAATACAGACACATTTGACTTTTTGTATATAGCTTTGCCCAAGCAGCAGCTGCAGCTCAAGCTGGTGC
CTCTGTCAATCAGATTTTTGTTGGTCTGTCTACGTGATTGGGCTCGGAATCACTCTGGTGACCCTGAAATAGAAG
CTGCACTTAAAGAGGAGAGGATCCTGGGCTGGCTTTGGTGACAAAGGCTTACAACCTACATTCACAAATATG
GATACAGATCAAAGTTGATGGCAGCAGCAGTT

>trans_s_2255 NM_121228 | *Arabidopsis thaliana* eukaryotic translation initiation factor SUI1 family protein (AT5G11900) mRNA, complete cds

ACCCTTTCACTGTTCAATTGCCTCCGAATCTCATTCTCAAGCAAACAAACCAAGAACAGCGAGAGAAAAAGAA
AATCTCTTTTCGCACCAAAAAGGGGGCGGAGAGACTGTTCTCGAGGAGCTTCAATGGCGGAGAAACCCCAACC
GGTGCGCGTTTTGTACTGTCCGGTCTGCAGTTTACCGGCGGAGTATTGTGAATTTGGACCCGATTCGAAAAA
TGCAAGCCCTGGTTGATCCAAAATGCTCCCGACCTCTATCCCGATCTCCTCAAAGAGGCCAATGCGAAGGAAG
CTGGTGAAGTTTCTAATCAACTGCAGTCGACCAGTATCTCATCTGCTGCTGGCGATGGAGCTGCTTCTTCAGGA
CCTAAGCAAGAGGAAGTGAAACGTCTTCCCGGTGGCAAGATAAAGAAAAAAGATAAGCAAGAAGTTGTTATT
GAGAAGGTTACACGAAATAAGAGAAAGTGTATTACAACGTAAAAGGATTAGACCTTTTTGGAGTTAAGCTA
AGTGATGCTTCAAAGAACTTGGGAAAAAGTTTGCTACTGGTGCCTCTGTGGTTAAGGGGCCAACCGAGAAA
GAGCAAACCTGATGTTCAAGGAGACATAGCCTATGACATCGTGGATTTTCATTACGGAGACTTGGCCTGATGTT
CAGAAACTGCAATTTTCTTCATCGAAGATGGGAAAAAGTTCTGCTGCTTGACATTGAAATCGTGGCAAACA
AATAATATGGACTTATGTGCATCCTTTCCCTACTTGTGCGAGTCCTTTTAAGATTCCACAAGTAAGTGGCCATT
ACAGTTTTTTTTGTTAAAGTTCCAAAACCTATGTATTGGATCAGGAGACTTTTTGTCCCGCTTTTCTTCATCCTTG
TAGCCTTTTCTCAGGAGATGAGCTTTATTGATTTTGGTCTTTT

>trans_s_2256 NM_001052664|Oryza sativa Japonica Group Os02g0187500 (Os02g0187500)
mRNA, complete cds

AGGCATTGCACCTACAAGTTTACGGTGGTGTGGCCTTTTGGTATGCAAGGCGCTATTATCTTGGCTGCACAAC
CGCTCCGAGTAAAGTTGTTGCGGAGCAATAATTCCAGTACTGGCAATCCGTCCGCTACAGCAGGCTCTAGCAA
CCCAAGCTTGATGGCGGCCGCTGGTCCGAAGTGGGCTCAAAGACTGTTACGCTGTCTCCTCATAGGCGGGG
CTGTCATCTCATCACCCCGAAGATAATGAAGGAAATTGGACAAGACTTGTGAGAATTCAAATATGGCCTTGCT
CATATCTTCTTGAGCATACGAGTGCCTCTCTTACCATCAACGAAAATATGATTCCGGATGTTGAGAGCGATAC
TGAAACCTTCTCAACAAGATAGTACCTGAAGGTACATCTGCTCCTTGAAGCATACTTGAAGGCCCGGAT
GACATGCCAGCTCACATTAAATCATCATTGTTTGGCTGTGCACTGACGATTCCCATACAAATGGAAAGTTTAA
TATGGGTACATGGCAGGGAATATGGCTATGTGAGCACCGAGACCACCCCACTGCACGTAATATTGTGGTCACC
CTGAATGGAATTTAGGAGGTATACGCTAAGAAGGGATGGAGCTTCTGCGTACACCGCCATTTCTTCTGTTGTA
TCGATGTCAATAATAAACTGGTGTCCGCTTGGCATACTGAACTGCCGACTGGGAGTATGGGACCATGTGAA
ACCTTTCTTTCTTCTTTCTTTTAAATTAATAAATTGAGATCGTAGTTCGTGGTTTATTATTAGTTATGTTTGGATT
GATTGATCTTTTTTGGAGATTAACTAGAAAAGAGAACAGAAACAGCAACAAAGAAAATTGAAATATGTAG
GAGGGTTGATAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2257 AP009370|Barbarea verna chloroplast DNA, complete sequence

AGTCGGGCGCCGCGAAAAAAGCCAAGATATTAATAAGAAAAAGGGGAGGTCCGTAGCATAGTTTTTTTTTCA
GTGCAATAAAGTTACATAGTGTCTATTTTTCTTGATAAAGGGGTATTTCCATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGT
TCATACCGTTGTATTGAATGATCCCGGTCGTTTGCTTTCTGTTTCATATAATGCATACAGCTCTAGTTGCTGGTTG
TTAATTGCTGGCAATTTGCGGTAGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGATCCTGTTCTTGATCCAATGTGGAGAC
AGGGTATGTTCTTATACCTTCATGACTCGTTTAGGAATAACCAATTCATGGGGGGGTTGGAGTATCACAGG
AGGGACTATAACGAATCCGGGTATTTGGAGTTACGAAGGTGTGGCCGGAGCACATATTGTGTTTTCTGGATT
GTGCTTCTTAGCAGCTATCTGGCATTGGGTGTATTGGGATCTAGAAATATTTTGTGATGAACGTACAGGAAAA
CCTTCTTTGGATTGGCGAAGATTTTTGGAATTCATTTATTTCTCTCAGGGTTGGGTGCTTTGGTTTTGGTGCA
TTTCATGTAACCATCGTGTATGGTCCAAAGGTATGGGTATCCGATCCTTATGGATTAACCGGAAGGGTACAAG
CCGTAAATCCTGCGTGGGGTGTGCAAGGGTTTGATCCTTTTGTTCGGGCGGAATAGCCTCGCATCATATTGC
AGCAGGTACATTGGGCATATTAGCGGGCCTATTCCATCTTAGTGTTCTGTCGCCCAACGTCTATACAAAGGAT
TACGTATGGGAAATATTGAAACCGTCCTTTCCAGTAGTATCGCAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCT
CGCATCGATGAAGAACGTAGCGAAATGCGATAGAACGT

>trans_s_2258 NM_120386|Arabidopsis thaliana phosphatidic acid phosphatase-related / PAP2-
related (AT5G03080) mRNA, complete cds

AAACACAAAATATCTTAATGAGAAATAACAAACGACCATTTTCTTGCTTCGTCCACGACTTCAAGTTTCCATCAC
CCATTGTAATTTGATTCTCTTCGTCGTGACAAATCCTTTTCGTTTTTCTCCGATCTCAGGCATTCAAATTCGTT
TCGTCTCCGATCCGATCTATTTATGGTTGTCTCTTCTAGTTCCTCCATTGAAATTTGATTCCACTTCCATGGCGG
CGGCACCACTCAAGGCGGTGTCTTTGACCCATGTCCGGTACCAGAGGGGAGATCAGCTCGGCCATTTCTTAGC
TTGGGTTTTCTTGGTCCCGGTCTTCATTAGTCTCGGTGGATTCTCTCACTTCATCTCCGTGCGGAATTACA
GGGTATGTTCTTCGCGCTAGGGCTTGTAATCTCTCAATTCATAAATGAATTCATCAAGACCTCCGTTGAGCAAG
CCCGTCCTGAGACGTGTGCGTTGTTGGAATGTGTGATTCCCATGGTTGGCGTCTAGTCACTCTCAGTATATG
TTTTCTTTGCTATATACTTCACTCTTTTGTCTATAAAGGGATTGGACTTTGGGGTACTGAAAGCAAGTGGGT
GTTGAATCTATTAGCTTGGTCTTTGGCTCTCTTGACCATGTATTCGAGGGTCTATTTAGGATACCATACTGTTGC
ACAGGTTTTTGTGAGCTACACTTGGTGGTCTTCTTGAGCTTTGTGGTTCTGGTTTGTCAATTCGTGCTTTT
CTGTTACTTCCCGGCTATAGAGGAGAGCAATTTGGCAGGAAGTTTTACATTAAGGACACTTCTCATATAAGTA

ATGTTTTGAAATTCGAGTATGATAAAGCAAGAGCTGCCAGAACAGAGTGGGACTGTAAGTGTGATTGATCGA
GTTGGATCTGATATGTGAGAAGGGGAAA

>trans_s_2259 AB243014|Codonopsis lanceolata mRNA for fructose-bisphosphate aldolase,
complete cds

GTTTGTTACAAATGCCGGGGTTGACGGTGGCCTCCTCTTCACTCTGTCCACCAGACAAGAACAATAGCCGG
AACTGCAGCAGGAACAGTTCTCTGTAGGGCAAGGACGGTGTGCTCGGCAATCACTTCTGGTGCAACCTTTGCA
GATTGAGATCCAGGGGTAACCATGTTGGGCTTCAACAAGGTTCTTCAAGGAGAACGTGGTGGTCATTTAGA
GCTTTGTAGCAGGCAGCAAGAACACGTTACGTCAGCACACTTCTTGATGTCATGAGGACCATCAACCA
AGATCTCAGGCTCAACAATAGGTACAAGACCATTCTCCTGACAAATGATAGCATACCTGGCCAATCCATTGGC
ATTTTCATTAATGGACAACCTGTGAGGGTTCGTTAGGACCAATCTTGAGCACTGCACGCCATTTGGCAAAACGA
GCACCAGCTTCATAGTACTTTTGGCAGCGCTGGGCAAGGCCATCAAGACCCTGGGTTGTGGTTTCGCCATCAG
TTCCAGCAAGTTCAACAGTACCCTTGTCACCTTAATGCCAGGGAGAACCCACCTTCTTCAAAACATCGACG
AAAGGCTTGCCTGCAGCTGTCTTCTGGTAGAGTGTTCCTCGAAGAGAATGACCCCACTGAGGTATTGAAGAA
CATTAGGAGCAGTGAAAAGGAGCTCACGAAGAGCACGTCTGTTTGTTCACGTTCTCAACATTGATGCTGGA
AAGACGCTTTCGAATAGTGCCAGTCGATTCATCAGCAGCAAGAATACCCTTCCCAGGAGTTCCAATGTAGGCA
GCATTGGCAATAAGCTCATCAGCGTATTTGCCTCTGTAGCAAGACATTTTGGAAGAGAGAAAAAAGTAAGA
GAGGAAAAATGGGGTCTTTGGGGAAAATGCAGAGAGGGATCGGCAA

>trans_s_2260 XM_002318590|Populus trichocarpa disease resistance protein, mRNA

AAGAAGACGAAGACGAAGACTCAGAGCCAAAAGCAGAGAAGCATAATCGGAGCTAAGGAAAAATGGCTCAC
CTGAAGCTTGAAGGCGCCATTAATTTGAAGGAAGATCTCATCGCAAGCGCTTGGTCTGCCGCCATTAAAGCTC
ACAAGCATCCTGAGAAGCCATTTCTTCTTGATAAACTAGAGATTCTCCATCATTAGCTTCGCCGGATCTTCGT
CACCGGAAGCCTGGTTCTCTGCTTCCGATTCTGTTTCGGAGTAACCAAATCGATACTCAGCTGTTTCCGTCC
GTCAGGAGCATCGGCGTCGATGATTATGCCGTCTCAATTCCGCATTTCTTCGCCGATTCCAGGGAATTTTCGG
GAAGCTTAAGGAGGTGCTAAGAGTGAATAAGTCTGTGGTGTTCACCGGCACTCAGCCGGAGGTCCGATAGC
CATTCTTGCAACCATCTGGCTGTTGGAACAGCAAAGAAACCCAGACTCAAACCCATACACCACTTCACTCCTA
CATGTATCACATTTGGATCTCCCTTGTTGGTAACTTCATTTCTCCCATGCTCTCAAAGGGAGAAATGGTCCA
CCCATTTTGTGCACTTCGTCACAAGATACGACATCGTTCCACGAATCCATCTTGCTCCTCTGCCATCCTTACAAC
CACAACATAAAACCATCCTCAACTGCCTGAACTCGAGATCACTTGGGTCAACAATGAATCCAAACGTAGCTACC
GAATTCTTCATGACGGTGATGAGGAATGCATCGGCTGTGGTAAGCAACGCTGCATGTCGTCTCATGGGAAAC
ACTAACCTTTTGCTAGACACATTGAAAAACCTTGTAAGAAATGAGTCCTTATAGCCCTTTTGGCACATACATTTTC
TTCACCGAGAGTGAGAAAGTGGTCGTGGTGAGCAAC

>trans_s_2261 BT029989|Arabidopsis thaliana At5g10010 mRNA, complete cds

AAAGAAGCATTGGCCTTGATCTTACGCTCAAAATCCCCAATTACAAAAACCCTAACTCTCTCTCTCTCTCTCT
CTCTCTCTCTTCACTTATCATCTCCATCCTTTTCCCTCTACATTCGTAATTTTAAATCCGGATCCTTCGGTTTCA
ATCCGCCGCACCATCCTCTTCTCCTTCTATTTCGATTCTCGTTTCATTTCTTACTCAGTTTCCGAACACAATGAG
GAAGGGTACTAAAAGAAAAGCAACTAGAAAGGAAGAGGATAAACCTGCGGAACCTAAGCCCGAGAAATCTC
CACCTCGAGCCAAGCGGACTAAGCTTCCCAAACCCGAATCCGAACCCGAGTATTTTGAAGATAAGCGTAACAT
GGAAGATTTGTGGAAGCAGCATTTCCTGTTGGGACAGAGTGGGATCAATTGGACTCGGTTTATAAATTC AAC
TGGAATTTCTCAAATCTGGAAGATGCATTTGAAGAGGGAGGAAAGTTGTACGGCGAGAAGGTTTATCTATTT
GGTTGTACAGAGCCTCAATTGGTTCCTTTCAAAGGAGAAAAATAAATTACAATCATACCTGTTGTGGTGGCCG
TTGCATCTCCTTTCCACCTTCTGATAAAATTGGCATCAATTCTGTTCAAAGAGAAGCTGAAGAGATAGTTCCC

>trans_s_2262 NM_116084|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein (AT3G62190) mRNA, complete cds

>trans_s_2263 NM_106128|Arabidopsis thaliana TRZ1 (TRNASE Z 1); 3'-tRNA processing endoribonuclease (TRZ1) mRNA, complete cds

>trans s 2264 X58245|Soybean mRNA for HMG-1 like protein

ATTTTCATGCGCAATTGAATTTCAATTTGCCATTCCCCTCCATAGGGACTTAATTATCCCCTTTTTTACTCTCATAA
CTCCCTCTCTTCCCACCACGTTGCTTCTTCTCCCCCTTCTCTTCAAACCCTAAACCTAACCTAACCTCC
TTCCCCAACTTCTTCCGTCGGATTGAAATGAAAGGCGGTAAATCGAAGTCGGAGTCGAAGAAAGCAGACAC
CAAGCTTGCTGTGAAAAAAGGTGCAGCGGGTAAGAAAGGAAGTAAGAAGGCAGGGAAAGATCCTAACAAAC
CCAAGAGGCCTGCCAGCGCCTTCTTCGTATTTATGGAAGAGTTTAGGAAGAAGTTCAATGAGGAGAATCCGA
ACAACAAAGCAGTGTCTGCTGTTGGTAAAGCTGCTGGGCAGAAATGGAAATCAATGTCAGATGCTGAAAAAG

CACCTTACATTGCTAAGGCTGACAAGAGGAAGGTTGAATATGAAAAAACATGAAGGCCTATAACAAGAAAC
AGGCCAGTGGAGCCAACGCTGCAGATGAAGATGAATCTGAGAAATCAATGTCTGAGGTCAATGATGATGAG
GATGGAGATGAGGGCAGCGAAGAGGAGGACGATGACGAGTGAAGATGTAGATGATAGTAACGTCATTTAG
GCTGTCAGTGTACTTGATCTTTCCATAATAATGGTTTGATCATTTCTGTTAATTGGTTTTTATATCATGAAAA
ATATTAGTATCTCCCTGCTATTTTGTGTGCATTGAGTAACGAAGGGTTGTAATGGGAGATCATCTGCCTTG
TACCTTACAATGTTAGTTATTCCAATCCAATGTGTTTTTAACTTTTCACTGAGATAACAAGAACATTCCACTT
CACACATCGTGTGACAAGATCAAAACACTCACTTATGTATT

>trans_s_2265 XM_002883053|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C2 domain-containing protein,
mRNA

AATCATCGAAATTTTGTACATAGGAATTGTCAATAGTCAATGAGGGTGAAGTAAGAGGATAAAACAAAATT
GGGTATTTGTATTTCTGGATATCCAAAGAAGGAAAGGGAAATCAATAACCCAAACAGAAAAACAGAGTTTGT
GTAGTTGGAGAACTTTGATTTAGTTTTGAAAATGGAGAATTTAATGGGATTGTTGAGAATTCATGTGTTTAG
AGGTGTGAATCTTGCTGTAAGAGATGTTTGTAGCAGTGATCCTTATGTTATTTCAAGATGGGCAAACAGAAA
TTGAAGACTCGAGTAGTGAAGCAAAATATAAACCCAGAATGGAACGAAGATCTAACTCTATCAATCCAAGACC
CAAGTCTCCCTGTCAACGTGCTTGATACGACAAAGATCTGTTCTCGCTTGACGATAAGATGGGGGATGCGGA
GTTTGACGTTGCGCCATTTGTGGAAGCCGTAAAGATGAGATTGAACAATCTCCAAGTGAACCATCATAAGA
AAGATTCAACCAAGCAGGGAGAATTGTTTGTCCGAAGAAAGTTGCATAATTTGGGTAAATGGACGAGTTATTC
AAAAATGTTTCTAAGGTTAAGAAATGTGGAGTCCGGTGAAATTGAGCTGCAATTGCAATGGATTGATATTCC
TGGCTCTAGAGGATTGTAGATATAAATTTGTAAAAGCTGAAAAAACATAATAAGGTACCTTATGAAATGGGA
TTTTCTTTTGGACTTTTAATTATTTGGTGCCATTAATTAATTCTACCTAGTTGTGTTGTGGTCTACCAATTATAT
CCATGGAATGAGTGGATATGTAGTGTGTTGCACAATGGTGTTTAGCCCATCAACCTACTTTTATTTTTGTTGT
GATTTAGACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2266 X85216|P.vulgaris mRNA for pectinesterase

AGTGGATAATGGGCCATTGCCCTTGTCTGTCAGAAAACCATATGGTGGACGTGTCAGCCATGTGAAGCTGTTGC
TGGCAAAGGGTTTATTGGGAAGGACATGGGGTTTCAACACGGCCGGTCCAGCCAAGCACCAGGCCGTTGC
CTTCCGGTCCGGCTCCGACCTCTCTGTGATGTCTGGATGTTTATTGATGGCTATCAAGACACTCTCTACGCCC
ACTCAAACCGTCAATTCTACCGAGACTGCGATATACCGGTACCATCGACTTCATCTTCGGCAACGCCGCGGTG
GTGTTCCAGAATGCAACATCCGGCCGAGGCAGCCACTTCCCAACCAATTTAACACCATCACAGCCCAAGGTA
AGAAGGACATCAACCAAACTCCGGCATTTCGATTCAGAAATGCACTTTTTTCGGCCTACAATAACAGTCTCAGC
GCCCCACTTATTTGGGGCGGCCATGGAAGGAGTTTTCTACGACGGTGATTATGCAGTCGGAGATTGGAGGA
TTCCTGAATCCGTTGGGTGGAAGGAATGGGTGAGCGGGCAGGACCCACCCAGCAGCATATTTTATGGTGAG
TATCAGAATAGTGGGCCAGGATCAAACGTGGACAAGAGGGTCAGATGGGCCGTTACAAGCCAGTCTTACG
GATTCCGAGGCCGAAAGTTACCGTTGGGACCTTCTGAACGGCGAGGATTGGTTGCCGGCTACCAATGTA
AACTTTGATACAACCTTTGTAATAAACACATAAAAGAAGAAACCCACAAGGACTTAAATTTTTTTTTTTTGGATT
GTTTTCTTTTCTTTTGGTTTGCCACTATCTACCTTTGTAGGGCCAAGTGTGAAGGAAGATCAGATTATTTT
TTTCTATTCTTAGAATTCAATAATTGTGAAGTATATTATGA

>trans_s_2267 BT003147|Arabidopsis thaliana At1g36050 mRNA, complete cds

TATCAATTTTGATGTTACGTTTCCTGCCCTTCCTGTTCTTTATTAAGTCTTGATGCCATGGACATCAGTGGAGA
GCAACACCTGGATGTGAAACATGACATAATTAAGGTTGGACTCTACGGCAATGCTACCGAAGCTAG
ACCGGATGGTATTGGTGACCTAAGATTGAAAAGCCCTTACAGAGACATGGTGGCAGGCTTGAGCACAATGA
GACATATTGTGGTTCCTGCTTTGGAGCTGAATCAGCAGATGATCATTGTTGCAATTCATGTGAGGAAGTTCGT

GAGGCTTATCGAAAGAAAGGTTGGGCTTTGTCAAACCCACCATTGATTGACCACTGCAAAAGAGAAGGGTTT
CTTCAACGGATCAAAGATGAGGATGGTGAAGGATGCAATATATACGGGTTTTTGGAGGTTAATAAGGTTGCT
GGAAATTTCCACTTCGCACCTGGGAAAAGTTTTCAACAGTCAAATGTTTCATGTTACGATCTGTTGGCTTTCCA
AAAGGATAGCTTCAATATAAGTCACAAGATTAACAGATTAGCTTTTGGAGAATATTTCCCTGGCGTAATGAAT
CCTCTGGATGGCGCGCAATGAGAACAAGAAACACCAAGTGCAACATACCAGAATTTTATCAAGGTTGTACCTA
CTGTTTACAAGGACGTTAGTGGGAATACCATCAAGACGAACCAGTTCTCCGTCACAGAACACGTAAGGACTGC
GGAAGTTGGTCGACTTCAGTCACTTCCTGCAGTTTTCTTCTTCTACGATCTTTCTCCCTATCAGGTCACATTCAC
GANGGGGCATGTGTCAATTCCTCCACTTTCTTGACAATGTATGCGCTATAGTTGGAAGCATCTTTCACGTCTCAG
GAATATTAGATTCATTCATATACCATGGTTCAGAAAGTGA

>trans_s_2268 NM_102725|Arabidopsis thaliana double-stranded DNA-binding family protein
(AT1G29850) mRNA, complete cds

AGAGTTAGAAAGGCGCCACAACCTGACCCTGAGAGAGTTACGATACGAGCGACAGGGGAAAAAGGTGGGTC
GCGTCCTATCAACGCAACCGAGCAGTTCTCCCCCTCTCTTCGTTTTTCTCCCCAGCTTATAGAGAAATCATT
CAACTCTACTTCTACTAACTGCTACCTCCATCCTCGAAACAATGAATGATCCAGAGCTAGAAGCAATCAGGCAG
AGAAGAATGCAGGAACCTCATGGCCCAGCGTGGCATGGGGAGCCAAAATAATCCTGAACAACAGAAGGCCCA
GGAAGAAGCTAGGAGTGAAGCAGAGGAACGTAGGCAAATGATGCTGAGTCAGATTCTGTCAATGCAAGCCA
GAGAAAGACTTTCTCGAATTGCATTGGTTAAACCTGAGAAGGCACGAGGTGTTGAAGATGTTATACTGAGAG
CTGCACAGATGGGCCAAATTGTAGAGAAGGTCTCTGAAGAGAGGCTTATTACATTGCTAGAACAAATCAACA
ATCAGACCACAAAACAGACGAAAGTCACTATACAAAGGCGTGAAGCGTTCTAGAGGATGACGATTAGCAAG
TGAGATGTGAGATGAATTGCATACCTATGTGATATAATGCATATACCAGCAGTCTTGGTTTTATGTTTATTGCT
CGCGTGAGACAGTATCAACCTTTTTATCTATTACTCTGCTGTGTTATTTTATGGGAATATTCTCATGTCAGAATG
CGAGAGCTCCTCGGAGTTAGCTGTTATTACTCCATTGTTGCGGTTATATTCGCCAACTATCAAGTATCAACCT
TGAAATATTATTTTGCTTTCTAATTTGTGATTGTTAAAGTGGAATTGATTTTCCTTCAATTCTGACTGTTTAAAT
TAGAGATTGATTTGTCCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2269 AJ277744|Fagus sylvatica mRNA for ABA and calcium induced protein phosphatase
2C (PP2C), (pp2C2 gene)

AAGGTTGAACTTCCAGGAAAAAACTTCTTTTTGGGAGGGCGATCCTCCCGGTGAACTGACCGTACCCCAAAC
CGACACAGGTGAACAAGTAGAGTATACTAGGGCGCTTGAGAGAACCATGTGCAAGGAACTCGGCAAAATGA
CCCCGTAACCTCGGGAGAAGGGGTGCTCTCCTATCTTTTTCTTAGTGAAAGCAGCACTACAAGAAGCAGCAAA
GAAGAGAGAAATGAGATACTCAGATTTGAAGAAGATTGACCGGGGAGTACGGCGACATTTCCACGATGACAT
CACAGTGATTGTTGTTTTCTCGACTCAAACCTTGTGAGCCGAGCTAGCTCTACAAAATGTGCAAGCCTATCAG
TGCGAGGGGGTGGAGTTAACTTACGTCCAACTCATTGGCCCCCTGCACCACACCATCAGACACTGGCATGGC
CTGATTTGGCTATATCATCTGATGTTTGTGTTGCTGTTGCATTGTTCTCATATGTGAATACAAGGTAGCTTCAA
CAGAGATAAAATGGAGCCAGGCATCAATCCTTTTACTATACTTTGTAACCTTAACTCAAAAAGAAGAAAAAA
GAAAGAAAGAAAGAAAAAAGCTTCAGCTTTCTGTCCAAACCAAGCAACTGAAGTAGACAGCTTCAAGTTGC
CTGTAATTGTAGCTAATTCCTTGGCATATTTATATCCTTCCATTATTTTTTTTTATCTTTTACCCATTTTGCTCA
CTACTTAGCTCCTGTAAATTGTATGTATGATGACTATGGAAATTCAGTTTTGCTTGTTTTGATCTGTGTCAATTC
ATGCTGAACTGCCTAATGTGTTATTACATCTTTGCTTATTTATGAAGCCACTTGAATGGTTGATCGAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2270 NM_118430|Arabidopsis thaliana UDP-galactose transporter-related (UTR2) mRNA,
complete cds

TATATTAGGCGTTGTTATGATATGTGGTGCTCTTGTCATGGATGCCTTTCTCGGGAACCTGCAGGAAGCCATTT
TTACTATGAATCCTGATACTACACAGACCGAAATGTTATTTTGCTCAACCGTAGTTGGCCTCCCTTTCTTAGTAG
TACCGATGGTGTTAACCGGAGAGCTGTTTCGAGCCTGGACTTCCTGTGCTGAACACCCATATGTCTACGGAGT
CTTGGTGTGTTGAAGCCATGGCAACATTTGTTGGTCAAGCGTCTGTTCTATCCCTCATTGCCATTTTCGGTGCTGC
CACAACCGCAATGATAACAAGTCAAGAAAAGCAGTCACTCTTCTACTTTTCATACTTGATATTTACCAAGCCAA
TGACAGAACACATGGAAGTGGGCTGCTTCTTATAACAATGGGAATTGTTCTGAAGATGTTGCCTGAGAACAA
ATTGCCTTCAAGAGCAGCAAAATCATCACATAGAGTAGATGAAAACCAGTTAGATAAGGGAAAAGAAGAAGA
TGAAGAGAATAGGCCTTTGGTTTAATGGAGAGTTCATGGAGTGTGCCTATCAATAAAGAGTTTTTTTAGTAGG
GTTTCCTTTTTTTCTAAAAAAAATAATATATATATTTTTTACTTAGATTTCCATATGCGTTTATTTATTCTCTTTTA
ATTTACAAAGTTGTTACTAAAAATGATGTAAAGATAGAGAAAAGAGAGAACATTTATACCCACAAGCTTATTTT
TCACTTCTTGTTACTCAAATTCATTTTTGAAAAATTGGAAGTACAAAATGATTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2271 XM_002892002 | Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acyl-CoA thioesterase family
protein, mRNA

GTTATGAATCTTTCTCATATTTATGCTTTAAATCTATTAATAATGAATAAAATCATGAAGCCGTAGCGGGAGGC
ATTCACGTAATCCGTTGCTTATCTTGATCCATTACTTTCAGTTATTCTCTTCGATTATCATCGATTCAACGTCTG
AATCGAAGACCACGCTTTTGATTCAATCGTCATGGACCTAGAATCAGTGATTGAGTTTCTGGATGTGTTCCGC
TGCTACAGAGGCTGCCTAGCTCGTCTTTAAGGGCAATTGCTGAAGTTATTGTCGTTAAGCGCTACGAGAGCGG
AGACTACGTTCTTCGTGAGGGTGAACGGGAGCTGGAATCTATTTTCATATGGGAGGGAGAGGCTGAAGTACA
TGCGCTTGATGAAGATGGGGAAAATCGTCCGGAGTTTCAGTTAAAGCGTTATGACTATTTTGGAACTTAGCG
TCTGTACAGGATGCTGATATAGTTGCTCTGTATAAGCTTACATGCTTGATCCTACCTCGAGAACATTATTCATTG
TTAAATCCGATGTCGATCTGGAATGCCGACAGAACTCCTGATGCATGTGCACTTGTTGAGAAAATATTGCACCT
AGAGCCTCTGGAAGCAAATTTATTCCAAGGGATTACTTTACCCGAGGCTCCAAAGTTTGGAAAAGTTTTTGGT
GGGCAGCTAGTTGGCCAGGCACTGGCAGCAGCATCAAAAATCTTGATTGTCTCAAGTTTGTCCATAGCTTGC
ATACATATTTTCTTCTGTGCGGGGATTTTGATATGCCAATTATATATCAAGTTCATCGTCTGCGTGATGGAAGCA
GTTTTGCTTCCCGAGAGTGGATGCAATACAGAAAGGAAATATCATTTTTACATTGCTTGCTTCATTTAGAAA
GAGAAGAAGGATTTGACCACAGATAGCAAAATG

>trans_s_2272 NM_001069167 | Oryza sativa Japonica Group Os09g0133700 (Os09g0133700)
mRNA, complete cds

ATCAAATTTATTTATTTTCTCCTAATCGTAATTGTTCTTCAAATTTGTGAAGAAAAAAAAAATCGTAATGGTTGAA
TTGTAGGATCATCCAGTGGACAATCAACAGCAAAAAATTCGGCTGCTTTCTCTGTCGTTTACCGTCAATCTTCG
TCTTCTCTCTCAATTTCCGAGCATTCTGCACAACGAAGGATAGTATCGGTTTCGATTTTTGAAGCGGTTTGAGT
GTAATTCAGAGGAGACACTAAAGGCAAAGGATCACCGTTCTCGTCCCGGATTCTGTTTCCTGTTCTTTCTAGA
TGACGAAGAAACATAGGAATGGGGAAATCTCCGAATTCGAGCGGGAATTATCCGGCGGAACTGGCGGAGGA
AGAGCTGTTGGAGATGTAATCTTGAATGATGGAGGAACGACCTCCACCGTCTGTGTTTGTGTTCTTTTCT
CCATCCTCACTCTCTTCATCTTCTGATTCTCCTCTCTTCTTGCCCGAGTCGAAGCCGGCTGCTCCAACCATAAC
AGCGTCGGCGAAACTGCTGCGAGGGAAACGTTGGAGCAAGTAATGGCTGAGGCTCTTCAAATCAGGTTTCG
GATCTGTCTGCAGTTTCGAGCTATTTGTTTATCTGTTTCTGGTGTAACCATCCAACGGATCAGCAAGGATTTT
GAATTGGTTCAGAGATAAATTTCTAGCCATGTCAAATTTATGTTGAAATGATGCTGCGGCTGCTCTGGCAA
GTGGCACCATGGGAAAGCTTAGTGTTGTGTTCTAATTGCTGGCACTGGGAGCATTGCTTATGGATTTACGGA

TGATGGAAGAGAAGCTCGAGCAGCTGGTGCAGGACCAATCTTGGGTGACTGGGGAAGTGGGTATGGCATAT
CAGCGCAGGCTTTAACTGCAATTATAAGAGCGCATG

>trans_s_2273 XM_002885775|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SNF7 family protein, mRNA

ATAGGTGGCTCCTCCATGGCAAGAGAACATCGCTGTTGCCGGTGACATCGTGGACGGACTTTGAGCAGGGAG
AGAGTTGCAGAGTTGCAGAGTTACAGAAGGAGAAGAGAAGAAGGGGTAAGCTCATCGGGATCGGAAATTCC
ACGTATCTTTTAGTTTTATCAATTGGCGGACAAGTATGAGCTTCCTCTTTGGCAGCCGAAAACTCCCGCAGAG
CTTCTGCGGGAGAACAAGAGGATGCTTGATAAGTCCATTAGAGAAATTGAAAGGGAAAGACAAGGCTTGCA
GTCTCAGGAAAAGAAGTTGATTGTGCGAGATAAAGAAAAATGCTAAACAAGGACAGATGGGAGCTGTTAAAAT
AATGGCCAAAGATCTCATCAGAACTCGGCATCAGATAGAAAAATTTATAAACTGAAATCACAGCTCCAGGGT
GTGGCTCTGAGAATTCAGACGCTGAAATCAACTCAAGCTATGGGAGAAGCCATGAAAGGTGTTACCAAGGCA
ATGGGACAGATGAATAGGCAGATGAACTTGCCGGCATTACAGAAGATAATGCAAGAGTTCGAGAGACAGAA
TGAGAGGATGGAATGACATCTGAAGTAATGGCAGACGCCCTTGATGATGCATTAGAAGGAGATGAAGAAG
AAGAGGAGACAGATGAGCTTGTAATCAGGTGCTGGATGAGATAGGAATTGATATCAACTCAGAGCTTGTA
ATGCACCCTCTGCTTCAGTGTGAGTATCAACTGCAAAAAATAGGGTTGCACAAGCAGAAGCCGAAGATACCG
GAATCGATAGTGATTTACAGGCTAGACTTGATAACTTGAGAAAGAGTAGGTTTTATTATGAGATATTAATAA
CACTCTTATAATATACATAATAAATCATGTATTGTGTTTATATTTGAAGTCTATT

>trans_s_2274 NM_001065986|Oryza sativa Japonica Group Os07g0412400 (Os07g0412400)
mRNA, complete cds

ACTCTGTCTATTCTTTTGCTTTCTCCCCACAACCAAGATTTACTCTCACCTCACTTTCAATCCAATCTCCTCTT
TCATCTTCTCCCATCTTTGCAATCTCACAATCAGGAGGCCCAAAATTTGCAATGGCTCAAGATCGTAAGAGGC
AGAGGCCGAACATACTGATCACCGGAACTCCGGGAACTGGCAAGACAACACTTCATCTGCTTTAGCAGACG
CCGCTCAACTCCGTCATGTCTCCATCGGCGATCTTGTAAGGAGAAGAATTTGCATGATGGCTGGGACGACGA
ACTTCAATGCTATGTTATCAACGAAGATTTGGTATGCGATGAGTTGGAGGATTTGATGGAAGAAGGTGGAGT
CATTGTGGACTATCACGTTGTGATTTTTTTCCCGAGCGGTGGTTTGATCGCGTTGTCGTTCTCCAACTGAGA
ACTCCATTTTGTATGACCGATTGACGAAGAGGGGATACGAGGGAGCTAAGCTTTCGAACAATATTGAATGTG
AAATCTTTCAGATATTACTTGAAGAGGCCAAAGAAAATTATGAAGAGAACATAGTGGTGGCTCTAAGGAGTG
ACACTGTACAAGATGTAGCTTCAAATGTTGAAACCTTGGCCAATTGGGTCAACAATTGGCAACCTGTAAGCTA
AAAACAGATAAAGAAAACAAAGAAGAAGAGATTACTTTGGAGTGTTTCATCTGTTTTCTTGATTCTAATTTTAT
GTAAAGTAAAAGAAAGTAGGCTTTGCTGCTTGATGCAATTGGTTTTCTAGCCTTATCTTTGTAGTTGTATAT
CTCTCGATTCTACATTGTTGGATTATTAGAAAGTTGGGCCTTTTTTTTTTAATCAGGTTTTATCTACTTTGTACCA
ATGTTTATCATTGAAACCTAAATGGATATTGTTGAA

>trans_s_2275 EU284124|Cucumis sativus pseudouridine synthase and archaeosine
transglycosylase-like protein mRNA, complete cds

ACGAAGTTGCTGGTCGGATTCTGAAGATTTACACAACCGGAGTGTTGCGGCGGAACTTGGCACGGGCGACTA
TTGATCTCTAAGCAGGGCCGGTGGAGCAGGAGGTAGACGGCGGCAGAGTTGTAAACAGAGGTTGACAGATT
TGAAGGAAGCATATATTTATAAATTAAGGTAACAACGTTTACAAGGATTCTCCTCAAATAACTCTGCGGCATC
ATGTTCAAAAAGTTTTCTACTGAAGATGTGTCTGCTCAGAACCAAGTCAAGGCATCGGTACAACGAAAAATTC
GGCAAAGTATAGCGGAAGAATACCCAGGACTAGAGCCAGTTTTGGATGATTTGCTTCCTAAAAAAGCTCCTCT
GATTGTAACCTAAGTGTCAAACCATCTCAATCTGGTTGTTGTGAACAATGTGCCACTCTTTTTCAATATCCGGG
ATGGGCCGTACATGCCTACCTAAGGTTGCTTCATCAATATCCCAACATTATGAGAAAAATTACAAGTCGACAG
AGGTGCAATAAAGTTTGTCTTGCTGGTGCTAACATAATGTGTCTGGTCTTACATCCCCTGGGGGTGTCTTG

ATGATGAAGTAGAAGCTGAAACACCTGTGGCAATAATGGCGGAAGGGAAGCAACATGCTCTTGCTATTGGCT
TCACAAAGATGTCAGCGAAGGAAATAAGGGCGACAAACAAAGGGATCGGAGTGGACAACATGCATTACCTT
AACGATGGTCTTTGGAAGATGGAACGACTTGATTGAGGATGATATTCAAAAGAAACAACATTAAGGGGACTG
GGGTGGGGGGACACAACCTTAGACCCTAACTTAGAGAACAACTTTGTTTAATTATCTATACTTTTTGAGCTTC
TCTGTTTTGTTGTGTGGACAGACATGAACAGAAAGAGGGGTACAAG

>trans_s_2276 XM_002876605|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata metal ion binding protein, mRNA

TCCAAGCAATGAAATGGAGCATAAGACTAAGGCCTGGGAGGTTTTTTACTGTGCCTGAGGCATTGAGAGCCC
AGCACGAGTCTCAACATGGAGATGCTGTTATGGAGGCTGTTGTGAAGGCTCGTTGTGGTTCTGTTTTGGGCAA
AGGCTCTATTCTTAAAATGTACTTCTTTCCTGGGCAGAGAACTCCAGCTATATACAAATTCATGGTGCACCTCA
TGTGTTCAAGGTTGATGGATACCCAGTATATAGCATGGGAACTCCAACAATTACTGGAGCACGAGAGATGCTA
GCATATTTACGTACCAAGCTCGAAGTTGATACATCTACTCTGAATGTGACAATAATTGATCTCAGAGAGGAGG
CGGTAGTGTACATCAATGATACCCCATTTGTCCTCAGGGAGCTGAATAAACCCTTTGATACTCTCAAGCATGCT
GGAATCACCGGTCCAGTGGTAGAACACATGGAAGCTCGACTAAAAGAAGATATATTGTCAGAAATCAAACAA
TCTGGTGGCCGTATGCTTTTACATCGTGAGGAATATAATCCATCATCGAATCAATCTAATGTTATAGGATATTG
GGAAAGTATCTTTGCTGATGATGTCAAGACTCCTGCTGAAGTTTATGCACATCTGAAAGATGAGGGACATAAT
GTTGCTTATAAGAGGGTACCATTGACCAGAGAAAGGGAAGCATTAGCTTCTGATGTTGATGCAATCCAGTTCT
GCAAAGATAACTCTGCAGGATGCTACCTCTTTGTATCACACACAGGATTTGGAGGAGCAGCATATGCAATGGC
GATTTTATGTATAAGACTTGAAGGCGAGGCAGATGCTTTTGCATCAAATATTCCACAAACCATGACTAACACA
GAATTATCTTACGCATATGAAGATAATTTGCATGCTCAGGC

>trans_s_2277 DQ191642|Solanum tuberosum beta-alanine synthase-like protein mRNA, complete cds

ACTGCGAGAGCCAATTTGCAAACTCCTTCTCAAGCGAAGAAACCAACATGGTGACGCCAAGAAAAGCGGTT
GCAGTTTCAGCCGTGCAATTTGCCTGTACGGACGATATCTCTACTAATGTTAACACAGCCGAAAGGCTGGTTA
GATCAGCTCATGCAAAGGGTGCAAACATAATACTAATTCAGGAACTGTTTGAAGTTACTACTTTTTGCCAGGC
ACAAAGGGAGGATTTTATTCAACGAGCGAAGCCTTATAAAGGCCATCCTACAATTTTTAGGATGCAACAACCTT
GCAAAAGAGTTAGGTGTGGTAATTCCTGTTAGTTTCTTTGAGGAAGCTAATAATGCCCATTTATAACTCCATAGC
CATAATTGATGCTGATGGGTGAGATCTTGACTTTACCGAAAGTCCCATATCCCGGATGGACCAGGCTACCAG
GAGAAGTTCTACTTTAATCCTGGTGACACTGGGTTTAAAGTTTTCCAGACAAAGTTTGCAAAAATTGGAGTTGC
AATTTGCTGGGATCAGTGGTTTCCCAGGCAGCAAGAGCAATGGTTCTTCAAGGTGCGGAGATATTGTTTTAT
CCAACAGCTATTGGTTCCGAACCTCAAGATCAAGGACTTGACTCTTGATCACTGGAAACGCGTAATGCAAG
GGCACGCTGGTGCTAATGTGGTGCCGTTGGTGGCTTCAAACCGCATTGGAAGAGAGATTATCGAGACAGAAC
ATGGAAAAAGCACGATCACGTTTTATGGGAACTCTTTATAGCAGGACCAACTGGAGAAATTGTTGCTGCTGC
TAATGATAAAGATGAAGATGTTTTGGTAGCAAAGTTTGATCTGGATAAAATCAAGTCCAAGAGACATGCTTGG
GGAGTATTTTCGCGATCGCCGACCAAGCTATACAAGGTGCTT

>trans_s_2278 AY070768|Arabidopsis thaliana At1g56200/F14G9_26 mRNA, complete cds

ACATTACCCTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGCTCTATCACAAAGAGTCGTCGCCAGGAGCTTCAC
CGCCATATCTCTCTCCATAGCGAGACCTTCCGGAATCTCTCCTCCTTTCTCTTAAGAAAGCTTTCCAGCATTAC
CCTTTTGCCTACTTTGTAGAGACGAAGCGGTTATCCTCGGCTTTCTCGTATCTCAAAGGTTATCATCTACC
CTTGTAGATGGAGATGCTTACTACAAATTCTGCTGTGATGCTACCTCTTCTACCCCACTGGGTGAGCATTGGG
GAAGAATGAAGGCCAAAGACTTACCTCTTAGGCGGTATAGTTCCAGCATCAAACCTCTAATGGGAGGAGAC
AATCATTGTTTGCTAAAGCAGGACCGGTATTTCTCAAACCAATTCCATCTACTGGGACGAAGGGAGGCATTCT

ATGTTCAAGTAGAAAGAACAGTACTTTTCAATTTGTTTGGCTGCTTTGAATGCTCGATGTGCAGCGGAGCAGACC
CAGACAGTTACAAGAGAGGCTCCTACAATCACTGTTCTTCCCGGCAAGGAGAAGTCACCGCAATTGGATGATG
GCGATTCTGGATTTCCACCTCGAGATGATGGTGATGGTGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGAGACAACCTGG
TCTGGTGGGTTCTTCTTTGGTTTCTTGCTTTCTAGGCTTTCTAAAAGATAAAGAAAGTGAAGGGCCATATCA
GGATGATCGGAGAAGATAAATATACTTCGATTAAACATATGTAGATTCTAAATTTATACTTCAATATACAATCT
CATGATAAACGTTTGTCTAGCCATGTTAAATCGCCATTAAATTCCTTTATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2279 XM_002890226|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F15H18.11, mRNA

GAACGAATCATTTTTAGTTGTGGATAAAAGAAGTAGAGAAATGGATGGAAGACGGAACCTAACCCGGCGGAG
GCGGAGTACAATGAAAAGCATGAGGCCGATCAGGACAATAACACTTGAAAAATGAGTCGAGTCATCAAATC
CACAGTACCCACCACTCTTGTTACAAAATCTACACTCTCCGGCCGTCCATTCCACTACCAACCCATTTCTCTCCG
CCTCATCCCGGCTTTCTCTCCGCCGCAATGCCGTCTGTCCGTCCCCGAGGTGGAACCGCTCGTTTGCCAAA
ACAGAGAGGCTTCGAATCAGAGCACTACACTCAGCCGCTGATGAAACAGCGTGTCGGAGAGGCGGAGGGA
GTGTTCTTCGTATGAAATACTGCGGACGGAAAAATCCCTACCGGCGAGATGAAGGATCGGGTGGCCGCTTTG
ATGACATTTCACTGAAATCCCGGTACCCACAAAACGACCGTTGGCGATTTGTGGATGTAAATGGGTATTG
AATTGTTTGATTGTCGCCACAGGTCATCGGCTGGCGGCAGGCCTCGAAGTGGAAGTCGACAGCCACGGAGGG
GGTTAGGAGGACGAGAATGAAAATGAAGATGGGGAGATTTGACAACACCATCTGGGTTTAGAAGATAAGAG
AAGAAACAAGTTTGAGGGAAAAACAGAGAGAGTATTTATGGATTAAAGTGGGGATTTGATTGAAGTTTGGGG
GATTTCTGTGTGTTTTGGGGGTGTGAATCGTGGACGGAGTTGAAGAAGTTTGGGTAACGATGTGTCTAAGTG
AATTGAATATCAGAGTATGAGTGCCTCAAATCATAGACCGTTGAATTATTATATAGTTTCATCAAATCCACATC
CTACACATTTTCATTCTTTAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2280 NM_001063520|Oryza sativa Japonica Group Os06g0182500 (Os06g0182500)
mRNA, complete cds

CTCAGTCATTTCTCTCTCTTCTCTCTCCCTCTTTCACTTGACTGAAATCACCTTCTTTTAAACATCATCTCTTCT
TCTTGGGTTCTCAATCTTCATTTCAAGCAAACAAGTTTATCAGAACAATGAAGGTGTTGAAATATTGAGAGTGT
TAAGACAGCAATTAAGGCACTAAACATAATAGATTGTGAAGTGATATAGGTTGATTTATCCGTACACTATGG
AGTGGACTAGCAATATTGGAAGTACCATAAGAAATAATCACAGCAGAAATGGATATGAGAACTTGTCATTCT
GCACCTGTTTCAACATTTAAATGGTGGCATATATGATCAAGAGGAAGTTGATTATGCTAAGGCAATATCACTCT
CAGAAATGGAAGTTGTAAAGCGGGAAGCATTGATCATTGAGAAACAGAAGATGAAAGCCATCACATCCCAA
TTGAAGAAGATGAGGAGCTCGCCAATGCAATGCAACTGAGCTTAGTCCTGGAGTCTTCTTTCAAATGACAG
TGCACATGCTTCTCTCTCGACCTTTCTGGCCTCTGAATCCAAGATACTCTGTGCTGGATGCAACGCCGAGA
TAAGCATACATGAACATGTTTTCGAAAATAATGGTATTGTTGGCATATAGAATGTCTCATATGTCATACTTGC
AAACGACTAATCAAAGATGATGAGTTATGCATGTCTGAAAATCGACCTTATCACACATCTTGTCCAAGGAATAT
GAGGCATTCTAAATGCTATGTATGCAACAACCTTTATCCACATAGTAATGGGGTGGTTGAATTTGGAGAGCA
TCCTTTTGGGCACAAAATATTGCCCTTCCCATGAACTGATGGAACCTCCAATTGTGTTAGTTGTGAAAGAT
TACAGCCAAAAGGAATCAACTACATTCTACTC

>trans_s_2281 BT008775|Arabidopsis thaliana At4g24530 mRNA, complete cds

ATCTTCATCATTACAATCCCTTTCTGGCTTCTGGGTTTGGAGTTTCGATTGCAAAACCCATCTCCAAG
ATCCATGGTTATGGGACTCAGTTACCATTCCAACAGAGTTGGAGCTTTGGCTGGTGTTCGTCCTGCTTTTCC
CTGTTTTCTGCCGGGTTTGTAGCCCTTTTGGTCATGCTTCGCTTCCACATTCTCGGAATGGAACACTCCA
AGCCCAGGCACCTGCGTCTGCTGAAAAGTGCTTTACAACGCCGAAGTTCAAACACAGATCAGTCTGATTTATG

GGCTCCTTTAGCCGATGAAGGATGGAGGCCTTGTGTCGATTCATCAAAAGCTTCCTCTCTACCAGAGAAATCT
GAAGGATATATCCAGGTGTTTCTAGATGGAGGGCTGAACCAGCAAAGAATGGGAATATGTGATGCAGTTGCT
GTTGCTAAGATTCTAAATGCAACCCTTGATTCCTTGAAGTTAATCCTGTCTGGAAAGATTCAAGTTCT
TTCGTCGATATATTTGACGTGGATCACTTTATTAACGTATTGAAGGATGACATTTCTATAGTTCAAGAGCTGCC
AGCTGAATTTTCTTGAGCACTAGGGAATATTATGCTACAGCCATTGCGGCTACTAGAGTCAAAACAGCGCCT
GTTTCATGCCTCGGCAAAGTGGTATCTGGAAAATGTTTTACCTGTATTACAGAGCTACGGTATTGCTGCCATTGC
ACCTTCTCACACCGTCTAGCTTTTGAGAACTGCCTGATGAGATACAAAGGTTGCGCTGTAAGGTCAACTTTC
AAGCATTAATTTTGTTCCTCATATCCAAGAACTCGGAGACGCTCTCATCAATCGCTGCGGTATCCTTGAGT
AAGAAGGAACCAACGGAGGGTAACCTAAG

>trans_s_2282 AY105856|Zea mays PCO109734 mRNA sequence

TTATGAAAGCCTCTTCGATGGTTTTCTACTAGTTCTACTTGCTGGGGGCCCATCCCGGACTTTCATTAAGGAA
GATGCAGAACTGATAGAGGAGGACTTTAAGTTTCTAACTGATCTCTTTTGGTCCAACGGTGATGGACTTCCTG
CTGATTTGATTAGTAAACATGCAGGCAACGTTAAAAGAGTTCTCGATCTATTTCAATTAGACTCCGAAAGTTTA
ATTGAGCAGTTCAAATATGTGATGATGGAGTCACATAGCATACAAGCTAAATCGAGGCTTCCATTGCCTCCAA
CTTCTGGTCTCTGGGAACCAACCGAGCCAAACACACTACTTCGAGTCTTATGCTATCGCAATGATGAGATAGC
AGCAAAGTTTCTCAAGAAGACTTACAATTTGCCAAAAAACTATAAACTGACTTGTTGATGAACATACTGATTG
CTGTAAAATTCCACGCCTCATCCAACCATACAATGTACTGTACATAGTAGGCAGCTTTGTGCCAATTGTGGTGA
TAAATTACGAGTTTGTGCAGCAAAATTTATTGTCGGAGAAAACATTCTTGTGTGATACCGGCATGGAGAGTTG
CAGTTGCTCTTGAACCTGAATTTTCAAGATGGTTATGTTGCATCAATCAGCTTCTGTCGCTCTCTTATCTACA
GTCACAATTCAAGTGATGCAGACATTTGTATTTGTCTGTCAATGCAGCCTTTTTTTTCTTACATAGTTAGGCACA
AGGAAAACGTACAGATCATAACAGAGGCTTCCATTTACTGTCCGATTATGACAGTCTTCTTTAACATACAAAT
ACCACACTGTAAGAAATCACAACTACAGGTGTAGGGAATCATTTTTCTTTTTTTTGGCAATAGTAATTTGATC
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2283 NM_001056810|Oryza sativa Japonica Group Os03g0390400 (Os03g0390400)
mRNA, complete cds

AATCTTAACCTAACCAACGGGTTAGTGTTTGGTCCCTCTCTGCTTTGCTCTTGCCCTGCCGCCAGCCTCTGACAT
CGATTCCTTGGGCTTGACCTCCAACCTCAAGCCGATCGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCATCC
ATGGCGGAAGCCCAGAGCGAACAACCTTTCTTAGCTGAGCAATATTCCTGAAAGAAAAAGAGGAGAAG
GTGGATATACCACTGCCCTCTGAAGTGAAAGAGGTGGAGAACGCTGAAAATGCTGCTCCTGCTGAAGTTGTT
GTGAAGAACGATGAACACCTGTTGAAGCTGATGCTGATCAAAGCAGTGACAATCCCCCTGCTGAAGAATCTC
CTGCTGTAGAGGACTCTGAACTGGTCTGCTGCTGAGAACGACAGTGAGAGTCTGCTGCTGAAGAAGAAAGCA
GCGGAGCTGGAGAAGAGGAAAATTCTGGTGATCAAGAAAGCACTGACGAGCAACCTGAAATTAAGCTCGAA
ACAGCACCAGTAGATTTCCGTTTCCCCACTACAAATCAAACCTAGGCATTGCTTCACCCGGTATATTGAATACCA
TAGATGCACACAAGCAAAAGGGGAAGGTGCTCCAGAGTGCGAAAAGTTGCGGAAATATTATCGTTCTCTTTGT
CCAAGTGAATGGGTAGAGAAATGGAACGAGCAGAGGGAGAATGGAACGTTCCAGGCCCGCTGTAGGAGTA
GAGAGTTGCCTGTTGATAATTGAGCAGCAGCCACATGCTGCCGTAATGGCAAATAAACTGAGTTCTCTCT
TTCCAACAATTGAGTTATAATAATTATCGGCTGGTTTTTGGTATTTCAATCAAATCCATTGCAACCAAAGTTT
TGTTGATGCAACCACTTTTGTTCCTGGTTTAAATACATGC

>trans_s_2284 Y12793|Cucumis sativus mRNA for patatin-like protein, partial

AACTCAAATTGCAAAAGCAACATATTCTCTTTTTCTCTCCTTCTCATAGACCCATCCTTTGATTTACCAATA
AACATAATGGCAGCTAAGTATGAGAAGGGAGAGAAGATAACAATTTAAGTATAGATGGTGGTGGCATTAGA

GGCATCATTCCCGGAACTATTCTAGCTTTTCTCGAGTCTAAACTTCAGGAATTGGATGGACCAGATGCAAGAAT
AGCAGATTACTTTGATGTAATTGCTGGTACAAGCACAGGTGGTCTGGTACTTCCATGCTTACAGCTCCTAACG
AGAATAATCGACCTTTGTACGCTGCGAAAGATTTAACCCGCTTCTACATCGAACATGGACCGAAAATCTTCCCT
CAAAGAAATCATTCTTAAGTTCAATGGTGAATATGTTTGGAAGTTATGGGCCCAAAGTACGATGGGAAAT
ACTTGAGATCATTGATAAACAGATTGCTTGGAGATATAACACTTAAGCAAACACTAACGGAAGTCATTATTCCT
GCTTTCGACATTAAGCTTCTTCAACCTGTGATTTTCAGCACACTCGATGCTAAATGGGATGCGTTAAAGAATCC
AAAAGTGGCTGATGTTTGTATCAGTACCTCCGCCGCTCCCACTTCTTACCTGGTCATGAATTTCAAACCTAAGG
ACTCTAAGGGAAATACTCGTAACTTCGATATGGTTGATGGTGGAGTCGCTGCAAATAATCCAACATTGGCTGC
ATTGACTCATGTGACAAAAGAGATGAGCATCTTGAGAAACAGAAGTGAACTTTTGAAAATAAAACCCATGGA
AGCAAAAAGGATGTTGATCCTTCTTTAGGAACTGGTGTGGCTAAAAATGATGAGAAGTATAGTGCAGCTATA
GCTTCCAAATGGGGCATGCTTTGGTTGGATCTATC

>trans_s_2285 XM_002871551|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata translocon-associated protein beta family protein, mRNA

ACTGTTCCACATTTTTGCGTACCTAATTCATCCGACGCCTCCTTCTCCAACTCCCATTCCGATCATCTCTCTCGC
CCTAATTCCGACGATTTTCATGGCCCATCCCTTTCTACCTCCTCTGATCCGTCTCCTTTTCGCTTTTCTTCCCTCTC
CTCGACCATCGCAACCTCCGATGTTCCATTGATGTCGCCACAAGAAGGCTTCCCTCACTCGCTCAAATCCG
GCGCCGAACGCGTCTCTGTCTCAATCGACATTTACAATCAGGGATCTTCGACCGCATATGATGTAAGTCTGAAT
GATGCAAGCTGGCCAGGAGATATGTTTGATATTGTGAGTGGTGAGACCTCCAACCTCGTGGGAAAGACTTGAT
GCTGGTGGCCATGTATCTCATTGATTTGAATTGGAAGCAAATCGAAAGGAATGTTTCATGGTTCACCTGCTGT
TGTCACATTCGTGTCCCTACAAAGTCTGCTTTACAGGAGGCCTTATCAACCCCAATTCTACCTTTGGATGTCCT
CGCTGACAGGCCACCAGAGAAGAAGTTTGAGTGGGTAAAGAGACTGCTCACAAAGTACGGTTCTCTGATCTC
AGTGATCTCCATCATCGTTCTCTTCATCTATCTTGTGGCTAGCCCATCAAATCTGCTGCAAAAGGAAGCAAGA
AGAAGCGTTAATTGAAGAATGGGAAGAAGAAAAATAGGTATAACTGTGTTTTACCCAAAATTTGAGAGAGGA
TGATATATTTGGCTGATGATAATATTTTGTGGGTAGGAAAGGTACAGAACTTTTTGAGTTGATAGATTTTC
TTTGACCCCTAATGAAGTAGAGCCGGAGGAAACAGAGTTTAATTATAGACATCCACGAGAATCAGTTNAAAG
TTCAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2286 BT012589|Arabidopsis thaliana At5g59410 mRNA, complete cds

AGAACAGAAGAAACCAGCCGAGAGACGACGATAGATTCTTTCTTTGCAGTGATTTGACCGCTGATGCATCCTT
CAATCCAAGTTTCTTCTTCATTGATCCAACCGTTTTTCTCTATCTTCTTCCCTGAAATACAGTGTTTCCATTCGG
ACTGTAGCATTTTATCTGCACTTTTTTTCTTCCGGAATCTAGATCTAAGCTTACTGTAGATTCTTTGGTTGTTT
TTGTTGCTTTTCGCGAAGAGTGATTGATTGAATTATCCGGTATGAAAGAAGCAAACCGGTTAAGTTCAATCT
TCATCAGCATCAAGATCATCAGAATGGTCATTTGGCTCCATTCAAGCTCGCTAAATTAATCGATCCAGAAGCCT
CCTGGGACAAGGATCAACTGGGAGATGTTTTGCACTGGATTGACAAAGCAGTGGCCGTTGTACTTGGACTGTT
GTGGGGTTCCATACCTTTGGTTGGAGGCATTTGGTTTCTAATTTTCTTGGCGATATCAACCAAGTGTGTATATG
GATACTATGCAATGATATTAAGTCGATGAAGAAGAATTTGGAGGTCATGGAGCTCTCCTTCAAGAGGGCCT
TTTTGCTTCTATAACTCTCTTCTGCTTGCTTGGATTCTCGTATACAGTTTGGCACACTTTTGATTGGCGAAGAAT
GATCTGACATCCTGAAAATTACTTGGTGAAGTTCCAACAATGAACCTGGTCATACTTGATGCCCTGCTTATTTA
CAATTGCTTCTAATTGGTGGCACGGATTTTTTTTATCATTATCATGTGAACAAATTGATTTAGAAGGGCAGG
AAAACTTTAAACTTCTGATATATGGTGATAGATTGATATTCGATCTCAAATTCATTGGTGACATTCTCAAAG
GGCACATAGAGATGGGCTATGGATGTT

>trans_s_2287 NM_179623|Arabidopsis thaliana VSR-2; calcium ion binding (VSR-2) mRNA, complete cds

GGAGATGGTTACACCATCTGTGAAGTAGCTAGAGGGCCTGGAAGGTGCAACGTAAACAATGGTGGCTGTTG
GCAAGAAAGTCGTAATGGACTTTCAATGTCTGCTTGTGTGGATAATGGGGAGGTAAATGTAAATGTCCTCCA
GGATTTAGAGGTGATGGTGTCAAACTTGTGAAGATTAATGAATGCAAGGAGAGGAAGGCTTGCAATGT
TCTGAATGTAGCTGCACGAATACATGGGGAAGCTATGACTGTAGTTGTAGTGGTGATCTTTTATATATGAGGG
ACCATGATATCTGCATAAGTAAGAATGCTAGTGCAGCAAAATCATCTTGGAGTTTCTTTGGGTATTTTGATT
GGCCTGGCTATCGCTGCTGGTGGAGCATATATGGTATACAAATACAGATTAAGGGCATATATGGATTCTGAGA
TTAGAGCTATTATGGCACAGTATATGCCCCTGGACAGCCAAGGAGAAGTCCCAAATCATGTCAACGGGGACC
GGTTGGACCGCCTGTGAAAGCACCTAACATCGTTTCATTTCAAGGATTTTAGATTCTTTACAAATGAAATGGT
TCGTTGTGCTCTTTAACCAGTCGTTGAATTTTTGGACACGGATCTCTTGTGAGGTTTATGTACATTATTAGACA
ATAAAGTAGTGCAAATTTGAAATCCCTCATTGACTTGAGGTTACGTTGTAAGCTTTGTTAGCAGGTAAAGATA
GTAATTAGGCTTTAGGTATATGTATGGTTAGGGATTTAGTTTGAAGCATTTGATAAATCTGCCAACAACTTAAC
CTACTTCTTTTCATGATTACATTTGGCTTCATGTTGCTATTTGTTTCATGTGAGAAGAAACATGCTTTTACCCCAA
AAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2288 BT004774|Arabidopsis thaliana At4g31130 gene, complete cds

CCTTCTCCTTCAGTCTTCACCTGAAATCAAGACCGGGAGAGTGGGAACGGGACCGAAATCCGATTTTTCTTTT
CGTTCTCCTCTTTCTTCTTTTCAATTCCTTCAGTCTTCAGGTGGTGACATTTATCTGCAGAACAAATGGCCGTGTCT
GTCAAGCTGATGTCTCTTACTGTCGCAGCTTTGGGTGTAACGTCCTTTATATTTGGAGTCATTGCTGAGAACAA
GAAGCCTGCATCTGGAATCCCATCCCGGGCAAGGGCATCGTTATCTGTGAGTATCCAGGCGACCCAACCGTG
GTCCTTGGATATCTTTCCGTTGCATTCTTCTTCTGCTTCTTCAGTTGCAGGATACCTGTCTTTGTTCTATCCTTACC
AAGGGAAATCCGTTCTCGAGGTGCCATGTTAAGAGCAGCAGTTTCTCCGCTTTCTCAACATTGCCTTGTTT
ACAACTGGACTTGCTATAACTTTGCTCGTGTGGCCAACAGTCACCGAGCAACTTCACTTGTACGCAACGTCCA
TCACAACACCGAGACAGCTTGCCCAACCGCCAAGACCGGTCTTCTAGGGGGTGGTGCAATTTCTATCTTGTATT
CTTCCCTCTTCTGGCTGGTTGCTCTGATGTTGGCTGGAATGCTCGTGAGGACTACTTTGATGAAATAGCGGA
AAAAGGAACCAATTCTGAATCTCTTAAAAGCAGCGCATGAAAAGCTCAATGTTTAATGGAAAGAATAATTCAA
TTTCAATTTACTTTGGATTTTAACTTGTTAAATTAGAGGATTTTTATTTGTGAATATAATATGATATTCATATTCC
TGCTTTTGTGGAGTACTAAATCTCCACTAAACCCAATTAATTATCAAATTAATAACATATTAATACTGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2289 AY107492|Zea mays PC0060628 mRNA sequence

ATTGAAGCTTTGGATAAGATGAAGGGGTTGCCTTCTCGTGGCGATGTGGAGCCTGGGGACATTCTTCTTTAT
CTGATTTGGGTCTTAACCAACCTGTGGCTATGTCTAAGGAAGGATGGCTAGCTCCCAATACTTCTCAAGTGGG
TGGGGAGACTGAAGCACTTCATAGGCTTCAAAAATATGCAGCTGAGTGCCGAGCCCAACCACCAAAGGCAAC
AACGAATGGTGTTTCAGAGTAGCATATATGGTGCTACCTTTTCAAACAAAATTTCTCCATGGCTGACCATGGGT
GCATTTACCCCGATCGGTGTTTGATGAATTAATAAACTGTTTCCAGGAAGAATGATGGTGGCAATGGCAC
TGGAACAACTGGCTGATGTTTGAGTTATTATGGAGGGATTTCTCCAGATTCATTACCAAGAAATACAATTCAA
CAAAGAAACAGCCTAATCCTTCTCCAGCTACAGCTTGACTGGCGCCCTTGCTTAGGGAGGGTTCAAAGCAG
GCATATCCTCATGCTGTAGTCATTTCTTGATCTTTGAATTACCGTACATTGCCTTTGTAAACGTTGTTTTTGATA
CCAATGTACGCTCTTCAACCTCATCTCGTTTGCTTAGAAGAACTCACTTAGCTCTACGAATAAACCGGTCGA
ACATCTTAAATTTTGGCCCCACCCCAAGAGAGAAAAAAAGGGTATTCATTTCCCGCTACTTTGTTTTCTGTT
CTAAACACATATAACCTCAGTTCTGGCTATTGTATGGTGTGAAATTGTAGGTTCAATTTCTGTTGTATTCACTTT
TTGATTTCCATAGTTGGGATGGGCTGTTTCATGTCAAATTATCACCTGAAATAAAAATTACTATAGTTATCTTA
ATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2290 XM_002891428|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein, mRNA

TTCAATGTGACGCTCCTTGCAGCAGTTGTGGCAAGGGAAGAAGCCCATTATACAAGCCAAGAAGAGAGAAAAG
TTGTATCTTTCAAGGACTCTTTGTGCATGGAAGTTCAAAGAAATTATGATGGCGATCAGTGTGCAGCCTGCCAT
CAGTGTAACACTACGAGGTTCAATATGCCGACCAGAGCTCCTCTCTGGGGGTTCTTGTTAAAGATGAGTTTACTTT
AAGGTTTTCCAATGGATCATTGGCTAAGTTAAATGCCATTTTCGGGTGTGCTTATGATCAGCAAGGCTTACTAT
TGAACACTTTGTGCAAGACTGATGGCATTCTAGGACTAAGCAGGGCTAAAGTTAGCTTACCTTCCCAGTTGGC
CAGTCAAGGAATCATAAACAATGTGGTAGGTCACTGTCTTACCGGTGATCCAGCAGGTGGTGGATATTTGTTT
TTAGGTGATGATTTTGTGCCACAGTGGGGGATGGCATGGGTTGCCATGCTTGACAGCCCTTCCATGTGAGTAT
GAATTACACCTGTTATGGGTGTAAATTTGTCTTACATAAGAAGATTCTTCTCCAAGTAGTTTTTAAAGATGGA
ATGAAAGTAGAAGAGCAGAACTATAATCGAATTTGGATCTCAACATAGATGCTCATAAGCTTCTAATTTTA
GTAGCATAAATATATCTATACTTACCTTTCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAACGAAA
AAGAAGCAAATGGAATACTAATCATTTTTTGGTTGTCTTGTATCAAATTAAGTCTGCAGTATACATTTTTTAACG
AGAGACTGAGCTTTGAAAACAAACGAAAGAATATAAAAGAGCATTGAAAAAGATTCTCTACTAAAAGGAACC
CGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2291 XM_002300288|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE901), mRNA

CTATTTTGAAAGCACAAACAGAAGACACTTCTTGATCTTGGCGATAAAGTTGATCAACTGAAGATTCAACAAGA
AAAGGAGAGATTAGAAAGGAGGCAACGTGAAGAGAGAGAACGTATAGAAGCACAAATAAAGGCTGCTGAC
ATGGCCTTGCGATTGAAAGCAGAGGCTGAGAAGAAACAGCAGCGAGAAAGAGACAGAGAAGCTGCCCGCAT
TGCTCTTCAGAAGATCGAAAGAACCCTTGATCTGGACCAAAATCTTGAGATTCTAAAGGAGCTAGAAAGGCTC
TGTGGAGGATTCTTATTCATCCAACATCACCGTGCAATGGTGACGAGGTCATTAGACGACTGCCAGTTGGAAA
ATCCATTAGAACGACTTGGCTTGTTTATCAAAGATGAATTCCTGGATGATGATGAAGAAACCATCTACAGTGT
AAACGGGAAAGAGGGGGAAATTTTTCCAGAAGTTGAGTGAGAGGGGATTCCGCATATTTGTTTTGTTTTATT
GAGCTCCGAGTATTTAGACTGCTTGGCCCAACTGGGTGGGAAAACAGTATATTTGTAAATGGTATTCATATTT
GATTGGGTTTAGGATTTAGGACTTTCGGATACTATATTATAGCTGTTTAGGGTAGAGGTAATGTATAGCCAA
AGTTCTATGGATGGGAAACAGAAAAAGGAAAAAAAAAATGAATAAAAAAATGAAAAGTGCAACTTGTAGTCG
GATGGGATTTGACATTTTATAGGACGCTAATTTGGTCTGCCTTTGTGGTGGTTGTATTGTGCTTAGTCTTTTTT
TATTCATGCATAGTCATATAATTTACCATTGAGAGGTAGACAAACAAGGATTACAACACAGTTATAACAATA
GAAGGAACATTGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2292 NM_001057337|Oryza sativa Japonica Group Os03g0655200 (Os03g0655200) mRNA, complete cds

ATCGCCCCATCGCCCCATCGCCCCATCAATTCGTTTCAGTCATATTTTTCTTCGTCTTCTTTTCTCCCTTCAGAT
CCTCGCACAGCAATTCTTTGTTCTGTTTTATTTTCCCATATTCATCTTCAATTTTCTCTATTGCTTGAACA
ACCTACCAAATTCCTCTGTTTTGTCTTAATTCCTCTTAACCATCTGCCATTTCTTTCTTCTTCAATTCGGATT
TCATATTTGACGAAAACCCAAATCTTTAGTTGCGATTCCGATGTCGGCTTTAGAAGGAGGTGGAGGAGGTACG
CTTTCGGAGATATACCAAAGTGCTAGGAGGCAGCTTTGAGGACCAGAGATGGGCTTGAGAAGCTTGAGCGT
CTTGAATACACGGCGGCTAGCGGTATGGATTCCCCGAGCTTCTCTCGATCAAGAAGGATATTACTCAGAT
CCAGTCTCTGTGTGTTGAGATGGATAGTTATGGCGGTCTATTGCGGCAAGTCTCAACGTGATTTGTGGAAA
AGAAAGGTGGAACAAGTTGCGGAGGAGGCAGATTCTATGAAACAAAGTTTGGACAAGTATTTTCTTAGAAAC
CAAAAGAGGATGATGGAAGCAAAGGAGAGGGCAGAATTGCTTGGAAGAGCTAGTGGCGACTCTGCTCACAT
TTTAAGAATTTTTGACGATGACGCACAAGCTATGAACTCGGTTGAAATTCATCACGGATGTTAGAGGAAGCT

>trans_s_2293 NM_125772|Arabidopsis thaliana ATDGK2 (Diacylglycerol kinase 2); diacylglycerol kinase (ATDGK2) mRNA, complete cds

>trans s_2294_BT009654|Arabidopsis thaliana At4g09620 mRNA, complete cds

>trans_s_2295 NM_105878|Arabidopsis thaliana oxidoreductase family protein (AT1G72190)
mRNA, complete cds

ACAATACTCACAAAGTCTACTGTTGTTCTTTGTTGACCATGGAAAGAACACATGACGATAGCAGCAAGGGTTT
AATCCGTGTTCTCTTTTGTTGGGTCTATTTCCAGTTCATATAATTATACAGTGAATACTTGCTCAACTATCCA
ATTGTTCAAGTCTGAAGTCATTCCATGTGAAGAAGTACCTAAAGATATTAGCAACTACCACATTGTGTTACTAA
AATGATGAAGTTCGATTTTGATTTAATCTCTCGAGCAAGTCAGATGAAGCTCATAGTGCAGTTTGGTGTGGC
CTTGATGGTGTGGACGTTGATGCTGCCACAAAAGTTGGAATAAAAGTTGCAAGGATACCAAGTGGAGTGACT
GGAAATAGCAATGTCCTGTGCAGAAATGGCTATATACCTAATGTTAGGCCTTCCTCGCAAGCACAAAGAGATG
CAAATTGCAGTTGATCATAAAAAGCTTGGAGAGCCAACTGGAGATACACTCCTTGGAAAAACAGATTTTCATCT

TGGGCTTTGGAAACATTGGTCTGGAATTGGCTAAGCGCTTGCGCCCGTTTGGTGTAAGAATTATTGCCACAAA
ACGCAGTTGGCCAGAAAATTCTAGCCAGTTGAATGGTGCAAGTGAAGATCTTGTGCGATCAGAAAGGTGCTCA
CGAGGACATTAAAAAATTTGCGAGCATTGCAGACATTGTTGTTTGTGTTTGTGACTCAATAGCGAAACTGTC
GGTGTGTGAACAAGTCATTCTTATCTTCGATGAAAAAAGGTTCACTTTTGGTAAATGTTGCTAGAGGTCGTCT
TCTAGACTATCAGTCCACTCTACATTCCCTTGAGTCTGGTCACCTAGGAGGTTTGGGCATTGATGTTGCTTGAA
CTGAGCCATTTGACCCTGATGACCCTATTTTGAAGTTC

>trans_s_2296 XM_002862703|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata myb family transcription factor,
mRNA

CTTCAGCTCTGAACTGAAAATGGAGTTCCTGGACGAAGATGCGAAGCCCAGGTTCTCTTCCACTCTCGCGCC
AATCCATCTCCGGCGATGGAGCTCCAATCAGATTCTCAGTCCACCAAACCTTTTCTCTCAATCACCGTCGTAATC
TCTTCCATTTTTCTATTCTCTCAATCGTATTCGTCCAATTCGAACCCCTTCAGATCCCTTTTCATCTGGCTTTCTCT
CTCCCTTCTCGTCGCGCCCTTTTGGCCCCATTTCCCTCACCGGTGGCGACATTCTGTGTCGGTCGAGGTCCGATCCT
CGAAATCCCCGACGAAGAACTCGAAGCAGAAGACGATTGGAAGAAGAAACCCGTTCAAAGCGCTCAAAGC
GCGTAGATCTAACGATGAAATCGCCGTTGCTTCAATCGTAGTCGCTGAAAAATCCTCTGCGAAAATTGATAAC
AGGAATGGAGTAGGTCATCAGAGTAACAAAAATGGAGTCGATTTTGCATTGAGGAAGCGGAATGGGACGA
TGCGGAATTAGGGTTTTTGAAGAAGCAATTAGCGAAACATCCTGTGGGGAAACCGAGACGGTGGGAGATAA
TTGCTGAGGCGTTTGGTGGGAAGGCATAAAGTGGAGAATGTGATTAAAATGGCTAAGGAAATGGGAGAGAAG
AAATTAGGCGATGAGGATTCGTATGCTCAATTTCTGAAGAATAGGAAACCAATGGATAAGAGAATTGAGAAC
GTCAATGAAGAAGCCCCACGGCCCGCGTCGCCGGCGGTTGGAGTTCAGGTGAAGACATTGCATTGCTTAAT
GCTTTGAAGGCATTTCAAAGGATTCAGCGATGAGATGGGAGAAAAATCGCAGCTGCAGTTCCGGGGATACCA
AGGCAGCTTGTATGAGGAGAGTTGGGGAATTGAAAAGGGATT

>trans_s_2297 XM_002882214|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UPF0131 protein At3g02910, mRNA

AGAAAAGAGAAAGAAACTCTTTTTTCCCTAATTTTTCTCGCAAAATTTTCTCTCTCTCTCCCCAACAGCTTTCC
GATTCGATAATCAAACAAACTGCTGATCTCATTGCAAAATTCTCCTCCCTCTTTCTCTTCTCCGCTGCGGCT
GCATCATCAAGATCTTAAAGCCAGAAGTGAAGGAGCGATGGTTGCCCAAGCCAAACAAACGGTTCTACGAC
TTTCATCTTCACCTACGGTACTCTCAAACGCGGATTCTGGAACCATACGTTATTGCAAGACCTGATGCGAACAG
GAGACGCTTCTTTCGTCGGAAGTTACCGGACGAGGGAGAGGTTTCCGCTCGTTTGCGGACCTTTCAAGTCCC
GTTTCTGATAAACTCGCTGGTTCTGGTCACATAGTTGAAGGCGAGGTTTATGCGGTAACGAAGGGAGGATTA
GGGAGAACGGATGAACTGGAAGGATTGAGCCGCGGACACTACGTCCGCTCCCGATTGATGTGGAAGCATC
GGAGGGCGGAGGTGTAGTAGCTGCGGAGGCGTATTATGCACATCCGAGTTACGCGATGGAGCTATGGAAGA
AGAAGAAGGAAATGGGTGGAGTGATAAGTTCGTATTCGGAGAAAGAAGCGAAAGGTTATGTGAAACGTAAA
GATAGGCCTCAACATTTAACGTTCTTGATCATATTAGTTTGTTCCTTTCATCTTCATCTGATTAGGCCTTTTTCT
TTTCTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTGCTTCTTCAAAATTTGGGGCAATTTTGCCTAATTTGTGATGAAATC
TTGTGTGTAATTGTTGATTGAGGATTCGTTTACTGGAAAATCAAATCCGATGGTAATTAGGGGTTTCTTCTT
TTTGATTACAAAAA

>trans_s_2298 XM_002873467|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CID5/IPD1, mRNA

ATCTTCTCGAGACTCGTCAATCTCAATTTCTATTATTGACCCTTTAACTTTCTCATCATTCCTTCATTTGATCC
TTCAACTCATTAGGGTTTCTTACTTCTCTGTTGAATTTCCCTTTTCAAGATCAAGATTTTGTCTCCGAGGGAAG
GATTGGACAAGATAGAAATCGTTTCTCATCTGGTGAAATGAAGCCACATGGATCGTCTTGAATCCGTTTGC
AACATCTTACATTCCACTCTCCAGAGAGGGGCTAACAGAACTTTATAGCGGAAACACTTCGAGGGGAAAT
ATTGGGGCTAACGTGCCAGGATACTCCGAACAATGTCTATATCCTCCATATAACAACAGCATTTCCCTCGGTT

AAATATGAATCATGGTAAAAAAGCATCCGTTGCAGCTTCTTCAGCTGTGAAGAATCACCCCTTTTCATGGATCAT
TGTCACAACAGAGTAGTGATTTGTCAGAAATGGAGATTTTTGATCGAGAAGTTAACATGGATCTTGAATTGCT
TCAAGTCAGTTTCCCTGGACTATCTGAACAATCCCTTACTGATGTGTATTTTGCAAATAAAGGTGATTTGGATG
CTGCTATAGACATGCTGAGCCAGCTTGAGAACAAACATCCACATGATGTTGAATACGACCCTGAAAGTCTCCC
AGACACTTTGGACATTGGTGATATCTCCGAATCCGGGTTTGTAAACGTTGACCAACCCTCTTTCAGAATGAAGA
ATGTAGCCAATCAAGCAAGTACTTCATCCAGATTCTAAGAGTATTTGTTGGTTTTGAGAAGTGAAGTCTCTTT
CCCCTTGTGGGTTTTCTTTGATTACTTTTTTTTTTACTATAAGTAAACATCTTCCCTGGGGATAAGGGGATCCTC
TCTGTTATAGGATTGTATAGGTGTTT

>trans_s_2299 NM_001050601 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0715800 (Os01g0715800)
mRNA, complete cds

ACCCGAACAAATCCCCGAGTAGAAGTATCGAACAAATAAAGTTCCACAACCGACAACCGTACATCAAAACACA
AGGCGCGAAATGGATCAGAGCGAGACCGAAATCCGAGAAGTCCAAGAAACCAACTCCAAATCGGAGTTGCA
ACCTCTTCTTGAGACCCAGAATCCAGTTTCAACTCCAAAAGTGTGAAGACGAAGGTTCCGGAGGTTGAGATC
CATCTTTATCGTCAGGGCAAAGGTCCGATCGATGTGTTTAAATCAAGCCTCGGTGGTTGGGATCAAGATCAGC
TTGAGGTCCGAGATATTCTGGACAAATACGGATTCAAGTCCGTATTTCGCCTTCAAACCTGACTCCGGTCGTGG
CGTCCCCATTGATTCAACCCTAGAAATGGCAGGTCTATACTGACTTACAGAGATGGAGCCGAAATTTTCATTG
ACGGAGAGCCTAAGGATTCCCTGATCAAACCGGTAACCAGGATCATTTTCGGCGTGGAATTATAACCATTTT
GATAACGTTTCTCTCTCGAGACTCACAAGGTGGATGAAGAACTTAATATCACTGGGAAGTCCCTCCTTGG
ATTCTAGCTTGTGTCGTTATCGTTTTTACGCGCTCAAGGAAGAGAACTAGGGACTTACTTAAAAAGTACGGTTG
GTAATTGTCTAGTCCTTCGTCTACTTTTGTCTTCAAAAAAAGAAAAAAATGTCATCCTCCAATAGAAAAT
GGAAAGCCATTAATCAATACGTTGATTCTAGGTTCTCAATTCGAACTTCCAAAATAGGAGACAGAATATTGT
ACCGTGGTGCTAGCACGAGGTCCATTGCTACCATAAATCCCTGTCTTAATTTGTTCTTCGATATGTGTAGATA
AGCAGCCTGTGTTTGCTGACTGCAATTGTTTGAATTTG

>trans_s_2300 NM_128565 | *Arabidopsis thaliana* ubiquitin family protein (AT2G30100) mRNA,
complete cds

AATAAAAAATAATCTTCATCGTCTTAAAGGAAGAATCTCAGGACACCTCTCAGGCAGCCAGAAATGGAGGTCTG
CAGCGACGGCGACTACATCTGATGGTAATGGAAAGTCTATCACTATCAACGTCAAGTTCACCGGAAAGTCAAT
ACCAATTATTCTTCCCGCCGATTGACTGTGAAGGATCTGAAATCCCTTCTTCAACCTTTAACCAATGTCCTACC
TCGTGGCCAGAAGCTCATCTTCAAAGGGAAGGTTTTGGCGGACGAGATGACGTTGGCGGGCGTCGGAGGTGG
CTAATGGAGCGAAAATGATGCTCATGACTTCTCAGGGACTACACCAAGGGGATGGCCCTATCCTTCGAGAAG
CGAGAACTCGTTCAGAGAAAGGAGCATGCAAAATGCCAGTAAATTGGTTGATGAAAAACAGCGTCTATCTG
TAGATAAAAGCCGTTATGAAAGATGGAAGGCCACTGGAGTGATAGCGTTGTCTGACTGCAATTTGAAAGTAA
TTCCCAATGAAGTGTGGTCTTGCGAACTTCAGCCAGAGTACTTGATTTGAGCAACAACTCTATTAACCGTGT
CCTTCTCAAGTTGGCAGTCTAAGAAAAGTGCAGAAATTATTGCTGAATGTTAATGAGATATCTGATGAGTCTAT
AAGTTGGGGATGGTTTTGCATTTTGAAGCATCTAGCAGTTTTGTCTCTATCTCATAATCTGTAACTACTTTAC
CTTCTGCACTGTGGGAGTTTGACTTCACTAAAGCAACTCCATGTGAATAATAACAAATTGACGAGTCTCCAGA
TGAAATAAAATTTTTGACCCGACTGGAAGTTTTGAAAGTCGGCCATAATAGGATAAGCATTGTCCCTTCACAA
TGGGGGATGTAGTTCTCTACAGAGGTGGATCTGTCATC

>trans_s_2301 DQ191636 | *Solanum tuberosum* 40S ribosomal protein S7-like protein mRNA,
complete cds

AGTCTCCATCGGCTTAAAATCAGATTATCATCCACTGAGTGGCCGATCGTTGCCTTCCAGCGCCGTCGACTAGA
TTTCTCAAGATGTATACGGCCTTGAAAAAGATCCACAAGGATAAGGATGCTGAAGCTTCCGAGTTCGAGGAG
ACTGTTGCGCAGGCACTCTTTGATTTGGAAAACACCAATTCGGAGCTGAAAAGTGACCTTAAGGATTTGTACA
TTAATTCAGCGCTTCAAGTTGATGTTTCTGAAAACAGGAAGGCCGTTGTTATCTATGTTCCCTTTAGATTGAGG
AAGGCTTTTCGCAAGATTCAGTTGAGGCTTGTCGTGAGTTAGAAAAGAAGTTCAGCGGGAAGGATGTGATT
CTGGTGGCTAACCGAAGAATCTTGAGACCCCCAAAGAAAGGCTCAGCAGTTCAAAGGCCACGCACCCGAAC
CTTACTTCCGTGCACGAAGCAATGCTAGAAGATATTGTTTTGCCTGCAGAGATTGTGGGGAAACGAACCAGAT
ACAGGGTTGATGGTTCAAAAATCATGAAGGTTTTCTTGACCCAAAGGAGAGGAACAACACTGAGTACAAGT
TGGAGAGCTTTGCCGCAGTTTACAGGAAGCTTTCTGGGGAAAAGCCAGTGTTGAGTTCCCGATAACCGAGG
CCTAATAATAACCTTCATGCAATGTGATACCGTTTTAGATGCATTTAGTTAAAAGTCATTCAAATTTTTGATGTT
GAGAACGTTGAGTGATGGTCTTAGATTCTGTTTTTATATGATTTTTGATTGCCAAAGCGAATTGTTTTTATGAA
TGTGGTAGCATTGAATGCCTTTATTTATTCTGTATTGTTATGTTTACCAATTTGGAGTAGACGTTTTAATCAG
CCGTGAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2302 EU408476|Arachis hypogaea Potyvirus VPg interacting protein (VPgB) mRNA,
complete cds

GTGCACTCTTGGCAGATGAACCCATGCAAATTTTTCCATCACGAATGGCACAATCCGTGTGAGTCCAATGAGA
GCACAGATCGCAACCAATCCAACGACAGGTATTTACTTCAAAATCAAACCTATTACATATTACACACATGCAAA
GATTACAGAAACCTTTCTGTTGGAGCATAGGTCACATGTACAGTCATCCGCTGGCAGCTGATTCTGACATGCT
ATGTTCTCTGCACCTCTGTACACAAAGATCTCAATTAGAGTAGTCTGTGGGAGGGTAATATTTGGGTGCAAGA
ATGCCTGAATTCCAGTATTTATTGCAACAAGGATCTCAAGTTGCACCCGTTGGCAATAAGTAGAGTCTTAGCT
GTTAAATCAGTTCTATTCTGAACAAGCTTCTGCAAAATGAAAATCTCCTCTCTGCTGTGAACCACCATTACCA
TCGAGGATAACTCGAAGCCAGTTTTCAACTCTTCAAGAACTCATTGGGTAATCGATGCATCTTTTCAGAGAT
TAAATCTACTCTCTCCCTGCAATATCCCTGAGGGATATCTTATCAGCACTGAAAAACGGTGAACAACCTGAAT
GCTCAGCATCATCGTTCTCTGTCTTCCATTTTCCATCTTCTTGGCAGCATGGCTTCAACATTAGGCCAAGTTTC
TCGAGAACTGGCACTCTCTGTAGGAGACTCCCGAAGTTGACCAGAATTTGATCTGGGTTCTCTTGAGGTAGG
CCATCTACTGGCACAAGGGAAAATGAAGTTTGCAGTGTGCCTGCTGTGATTGCTGTGCGGGAAGCAGCATTTT
TTCAGTGGTAACAAGTACGAGCAGAAGAAGCACTCTGGGGGCTCAGAGCTTCAGCAGAGGAGAAGAAGAAG
AAGACAAAATTAGAACAAGAAGAAAGGAAGAT

>trans_s_2303 X61113|N.sylvestris mRNA for chloroplast 29kD A ribonucleoprotein

GCCAACCTTATCTCAAAAACCTCGGAAGCCATGTCTGCCTCTGCGGCTTCTCTCACGCTCTCATCCCTAACCTCA
AAACTCTATCTTTGTCTAACCTAAATTCAAACTCTTCTCTCAATCCTTCTTCTTCCATTGCTTCTCAATCCT
ATTTCCATTTCTTCTTTGTTCTTCTTCTCATAGGGTTTCTTCTCCTTTCTCTCCCGCTTTGTTGCAAATGTCGC
CGTCTCATCCGATTACGACCAGGAAGAAGACACTCTTGAGGCCGATGGAGACGACTCCGGCTACGCTCCTGAC
CTCAAACCTGTTGCTCGGAAATCTTCTTTCAGTGTCGATAGTGCTCAACTCGCCGGCTTATTCGAAAGCGCCGG
ACAAGTTGAAAGAGTCGAGGTAATTTATGACAAGACGACGGGAAAGAGCAGGGGATTTGGCTTTGTTACAAT
GTCGACTGTTGATGAGGTTGAAGCAGCTGCTCAACAATTTAATGGCTATGAACTCGATGGGAGATCACTAAG
GGTAAACTATGGACCTCCACCGAAAAGGGACGATTCCCCTTTCAGAGGTTCTAGAAATGCTTCAAGATTTGAC
AACCGCAATCGGGTCCATGTGAGTAACCTTGCTTGGGGTGTGACGATCTTACACTTGAGAACTGTTTAGGG
AACAGGGAAATGTTTTGGAGGCAAAAGTAGTTTATGATCGTGATAGCGGAAGATCTAGGGGCTTCGGTTTCG
TAACATATAATTCAGCGGAGGAAGTAAAAATGCCATTGATCCTTGAATGGAGTTGACTTGGTTGGAAGATCC
ATCCGAGTAACACAAGCCGAAGCAAAGCCGCCAAGGCGCCAGTTTTGAGTATCTGCAGCTTTTATTTATAAGG
AATTAACGTGCATAGCATATAGCTATATATATA

>trans_s_2304 AY105523|Zea mays PCO147002 mRNA sequence

TGCTGGGAGCATAGAAGGAAGTGCTGATGAAAGTAATAATCCTGGAACATCTGTTGTTGATTCTGTGTGAGGC
AGATTCTGAACTTCAGTTGGATAATAGGTGTATAAATGGGGATAGCATGCATATGGAGACAGAGCCAAATGC
TGTGCTTGAGATGGCATTAAATCCTGGAGGTGGGGTTAAGTCTACAACTATCCAGAACCCAGTGATAAGGCTG
AGTATGGCCTCAACAGCGTAAGAGAAAAGCTAAGCAAGAGCATTATAATATGATGATCTATACACCACCGTGAA
TACAATCCGTATTGGCCAAAGAAGAAAAAGAAATAAAAGAAAGGAACCCTGTCCATTCTGGGGCAAGTGTCTCT
TTGAATTGCTGGCCTTGGCGTGCATTATTTTTTCTTTTGTCTAAGTGCCACATTCTTTATACCTACAAATGC
ACCATCTAAAAAAATTATTATGCACAAAGTAAAAAGTTCTTTGTGTACTGATAATACTTGCTTGCACTTACAAT
GACTTCAACAAAAAACCGTTCTTCAAGAGCTTTTGTAGCCTCAAAAAGGCTCCCTTGGCTTGTTGGGATTTTCT
CTAATATGCATTGCTTTGGCTGCTGAGTTGAGTGCTACCTCGTCGTCGTCTTCATCATATCCCCACCTCTATAGT
CATTGTAATATATTCATCGATCCTCTGGTTAATTATATTCTGAGGGGAGGGGAAGTGTTTTGTATTTCTGCCTTT
TTCTTTGTTTTTTAATCTCTTGAAAAAGTATCGGGATTGAAGTGGGGACTAAGTTCTTAGATTTATGGACAAA
GTACTACTTGGCTTGGTGTTTCTCAACCATTGAATGTAATCTACCAACTATTTGTGTTAATACAGACAACTATTG
TGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2305 NM_104462|Arabidopsis thaliana ATCSLE1; cellulose synthase/ transferase,
transferring glycosyl groups (ATCSLE1) mRNA, complete cds

ATACAAAGCCAAGGATGGAAATCAGTTTATTGCAACCCAGATAGGGAAGCCTTCCTAGGTGTTGCACCAACCT
CATTAAATTCAGACATTAGTTCAACATAAGCGATGGTTCGGAAGGTGACTTCCAAATTTACTTTCCAGATATAGT
CCTGCGCGGTGTACTCGTGGAAGATCAGCTTCGGCTACGAATGGGATATTGCATCTATTGTTTTGGGCTG
TGAATTCCTTGGCAACAATATATTACTCCATCATCCCCTCTCTTTATCTCCTCAAAGGTGTTCCCTTGTTCCACA
GGTTTCAAGCCTATGGTTGATACCTTTCACATATGTGATATTGCCAAGTATGTTGCTAGTTTGGTGGAATTTT
GTTGATTGGAGGAACAGTCAAAGGTTGGTGGAATGAACAGAGGATTGGCTGTATAAAAGAACAGATCCTA
TCTCTTGCTCTTATAGATTCTGCCTTGAAGATACTGGATGGTCTGATTTAACATTTGTAATCACAGCTAAAGT
GACTGATCAAGAAGTCTCTCAAAGATATGAAAAGGAGATAATGGAATTTGGAGCTTCTCTCCATTGTTCCACC
ATCTTAACAACAACCTCTTTGCTTAATTTGTTTTGCTTTCTTGGGATGATGAAGAAAGCAGCAAAAAGTATAA
TGGTTTGGTGATGGCTTTTCAAGCAATGGGTTTGCAAGTTCTTCTTTGAGGAATTTTGGATCTGATCAATTGGC
CTTCGTACCAAGGAATGTTCTTTACAACAGATAGGGGCAAGATGCCAAGCTCCCTGACTATTCAATCCCTTATA
TTGGCTCTAGCCACTTGCTTTTCTTTTCATTTCTACTTTAACTTGATCCTTTCTTAAATATAGATTTTCAAAAA
AAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2306 BT022104|Arabidopsis thaliana At3g14910 mRNA, complete cds

TATAATGGAATTAACCTTAATCCATGGGATAAAAAATATTATAGTCGAATCCTGTCAATTATTGTGACATTTTGT
TTACTTTGTATGGTGGCATCATGTGAAAAGACTTTCTGAAGACAAGAGCAGGTCTTTAGTGGGAGCCATTTTA
TCAAAAGTTGTCCCTGCAACATTTTCGACAATAGCTTCATTTTCAAAAATGATTTGGCGAAGTGAACCAAAAAC
ATCTAAAAGCCGGATGCGAAGGGTCAAGCTTTTGTCTGAGCCTCTCCTTTGACGTGCTTGAAGGACCATCCG
AGAAAGGGTGAGAACTGACTTTGTCTCCAAGCGGTACACTGGCAGCGATTACAGATTCATTGGGTGCAATA
CTGCTCCTAGACACCCAGGCACTTGTTGGTGGTGCAGCTGTGGAAGGGATATCGTGATGCCAACTGTTTGTTC
TGGAGATGCTAGTCAATAGAGATACTGCATCATCGAGTTCTAATTCCATGGATTATGAACCAGCAAAAAATGA
TTACTGCTTGTTTGGCTATTCATGCTCCACGAAAGGGGATAGTTGAGATATGGCAGATGAGAACGGGGCG
TCGTCTCCGAACCATTCGATGTTCTAAGGGTAGCAAATACTGCAACCTTCTCCAGGTTTGGATCGTCCATGG
TTTCCCCTTATGTGCCATTGGAAGTTTTCTATTAAATGGAGATTCTGGTCAGATTTCTGTTCTAAACCGAACCC
TTTGATTAACCTTGAACTGTATGATTTTCTCATTTCTTAATAGTGAAAAATAATCTCTTACCATTATATCATTT

>trans_s_2307 AB021119|Arabidopsis thaliana sigD gene for RNA polymerase sigma subunit SigD and spliced variant SigD*, complete cds

>trans_s_2308 X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

>trans s_2309 AY103670|Zea mays PCO086234 mRNA sequence

[illegible]

>trans_s_2310 AY491500|Capsicum annuum ubiquitin-conjugating enzyme E2 mRNA, complete cds

>trans_s_2311 AF039183|Fragaria x ananassa GAST-like gene product mRNA, complete cds

>trans_s_2312_AY196093|Brassica napus cytoplasmic ribosomal protein S14 mRNA, complete cds

GCGGTGGCAGCCTAGAAGGTCTCGAAGGTTCAAGCTAAGTCTCTGAAGCCTTAACCTTCATTACAAAGTCCGG
TCATATACTCTCCACCATGTCGAGAAGGAAGACTAGAGAGCCTAAGGAGGAACTGTCACTCTTGGCCCTGCT
GTTCTGTAAGGAGAGCATGTCTTTGGTGTGCTCACATTTTTGCTTCGTTAATGACACTTTCATTATGTGACC
GATCTGTCTGGTCGGGAAACACTTGTCGCATCACTGGTGGTATGAAGGTGAAAGCTGATAGAGATGAATCG
TCGCCTTATGCTGCCATGCTTGCTGCCCAAGACGTTTCTCAAAGATGCAAGGAACCTGGCATCACTGCTTTACA
CATAAAGCTTCGGGCTACTGGTGGAAATAAAACCAAACTCCTGGACCTGGTGCTCAATCAGCTCTTAGAGCC
CTTGACGTTTCAGGCATGAGGATCGGTCGTATAGAGGATGTAACCTCAATACCTACCGACAGCACTCGAAGAA
AGGGTGGAAGGAGAGGAAGAAGACTGTGATTCATAGCCATCTTCAAATGGGTTTGCACTTCTTGCTGCTCG

ACCATTGAGTTCCATAGTTTTAGACAACGTAGCATGTTCAATCGACAAATCCGGTGTTTTGGTTTTGGTGTTT
ATCAAGATTTTTGCTGTGTTTTGATTTAAATCATTTAGTCAATTGAGTTTGATACTTTCTTTTTTGGCTGCATTT
TATAATTAATTAATGATTAATATTGATGTGTGGGACTCGTCGCATATAGCCATATAAGTCTGATTGACCGATGG
TATCATGTGTTAGTTTTATATACTAGACGAAAACAATAATTATTGTCACTCTTTGAATATACTAACTGATTTCCC
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2313 AY052689|Arabidopsis thaliana AT3g51510/F26O13_150 mRNA, complete cds

TTATCCTCAGTATTATCTCCCTCCAAAACCGACCGCTCGATCCAGTCTCTCTCCCATCTCCGCCGGTTGTTTCAC
GGAGGCCGGAAGCCCTACGCTCGCAGGGGCTTCTCACCTCACTCATCTCTCGCAGCAAAGTTCCTTCCGTA
CCAAAAAGAAGACTGAAGGGGTTGAAAGAAGAATTGGGAGTGATGTCTGCAACGCTGTTGTCTTATTGCAA
TCCAAGTCTAGCTTGTAAATTACGCGAGGATGGATTTGAAACGCATGGCTCTCGGACATTTACGGTCTATTGGA
AGGAGAAACAATGGCCATCGCAAGCTTACGGTCTTTGCCGTTACTGAAGGGTCTGCAAAATCAAGCGAGTCT
GAAGAAACAATTCCTTCTTGGGCGAAATTAGATTGAGAGGAGCCTCCACCTTGGGCAAAGGAAGAACGCAAG
GAAACTGGAACCCAGCAGGGATTTGAGTCCCTTTCTATGTTTACTTGCTTGCCTCATCTACTGCAATTGCT
GCTATAGGTTCCGTATTTGAGTACGTGAACCAGAAGCCTGTCTTTGGAATTATAAATTCAGACAGCATATTGTA
CGCTCCATTGCTTGATTTTTGCTTTTACTGGCATTCCCACTGCTGCATTCTTTGGTTCAAATCTGTTGAAGTT
GCTAATAAAGAAGCTGAGGAACAGGACAGAAGGGATGGTTACTGTAGAATATTTATCTCTAACACGAATTTA
TTGTTCTTTGGAAGTAACAATGCTGTCTCCCCCTTGTTTTCTGTATATTCTCTACGAGCAAGCTACTGTATAATT
GATGTTAATTAGACAGCTATTGCTGTTTCATGATTTTCAATTTCTAAAAAAGATGTATATCATATATTGTTTTAA
TTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2314 NM_128774|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT2G32150) mRNA, complete cds

TCGCTCTCTGTTTTCTATTCTCTGTTTTCAATCATGGCTTCCTCTTCCACTGCCTCATTTTCGATTTAGATG
ATACTCTGTACCCATTCAACTGGAATTGCTACCGCTTGCAAGAAAACATTGAAGATTTTCTGATTGAGAAA
TGTGGATTCCCAAAAACCAAGCTCCCATTCTTGAACAGAGCTTTTTAAACATACGGCAGTACTCTGGCTGG
TTTGCAGCATTGGGATATGACATCAAAGCCGATGATTACCATGGTTTCGTGCACGGGAGGTTGCCGTACGAT
AGGATCAAACAAGATTTTCAACTCCGGCGCCTTTTACTCTCCATTCTCAAAGAAAAATCATATTTACGAATTCC
GACATGATCCATGCAACGAAAGCGCTCAGTCGACTTGGGTTAGAGGGTTGTTTCGAGAAGATCATATGTTTCG
AGACGATGAACCAAATCTTCAAAGGCGACTCGACCGAACGAGTTTCCGATCCTTTGAAGCCATCGATGGA
CGCCATGAGAATCGCACTTGATGTCGCCGATGTTGACCCTCGTCATACGTTGTTTCTTGACGACAACATCCGCA
ACATTGCTGCCGGAATCCCTCGGCCTTCGTAAGTTTGGTGGGGAAGACGGTGAAGAGTAAGGAGGCGG
ATTACGTGGTGGAGAGTGTGCATAATTTAGTACAAGTTATACCGGAGATATGGATGAATACAGCAGATTCCG
ACGGTGATGATGAAATGATGAATCGGAGCCGAAACGAGGTTGATTCCATTATATGACAGCAGCAGCAGCTG
TTGGTGCTTAAATATTTTATGGAATCTTTTTTGTACATAAGTGGGTCTGTTTGATCAAATGTATAAACCCC
TAGTTAAGTAGGGTGTTAATGAATGTACAAA

>trans_s_2315 GU984035|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY50) mRNA, complete cds

ACTCTTCTCTCACTTTGATTCCATTCCCATGCTCAATTTGCGATCTTCCACCTTCAATCATGGAGTTTCTCTCTC
TAATTCAAGAGCTTAATCAAGGCAAACAACCTCGCTAACCAACTCCGTAACCATCTTCATCCTTCTTCTCCTCCC
ATGGCATTCTCTTAGTCGATAAGATTCTTCGTTCTACGAAAACGCGCTTTTGGCTCTCTCCGCCGGTGGCGGT
GCTTCCGTCAATTCCGCCATTGCTCCGGTCAATGCGGCTGTCAAAGATGGAGATGTATCCAAAAGAGAAAGT
TAATGGCGAAATGGAGTGAACAGGTTAAGGTTTCTCTGGCTCTGCTGTTGAAGGTCCGTGTTGTGATGGATT
TAGTTGGAGAAAGTATGGTCAGAAGGATATTCTTGGATCCCAATTTCCAGAGGCTATTTTAGATGCTCACATC

GCTTTACACAAGGATGTTTAGCGACAAAACAAGTTCAAAAGTCAGACAATGATCCAACCATTTATGATGTAAC
TTATAGAGGAAGACACACTTGCAACAAAGCCCTTCATTCAACAAACACACCACAAGAACACCAAAACTCATT
CTTCAACACCCAATCCCACCAAAACAAGAAGAAAAGCCATTGCAGCAGTTACATGATCCTTTATGTTTTATGTT
CAGCTCCGACCCCATTCGAGTAAAATCCGAGAACTTAGACAATGCCAATGGTGGCCTCCTTCAACCATTTTGT
CCCCATCCCCGATGTTGCGTTCTGAAAGTCAAGATGATCAAAGCCCTTTAGGGAAAGTGAGTGTTCTCTGAC
GTTTGAATCGAATGATACGTTTGGATTGTGCTGTGATTCGAAACTGGGTTTGTGTCGATTCTAGTTCAATGA
CTAATATTTTCGATTGGAGACTTGGAGGA

>trans_s_2316 S74161|sucrolytic enzyme/ferredoxin homolog [Solanum tuberosum=potatoes, cv.
Cara, leaf, mRNA, 1332 nt]

AAGAACGCGAAGACATCCAATCCCCTCTCCTCCGCGCTCCACTCACTCTCTCTTCATTGCCATTCTCCACATTCT
TTGTTTCTCTTCTCAATCTCCACCTCTTTTTCTCCATGGCCTCCGACAACCTTTCCTCCGTTTCCGGCGCCGCCG
ATGACGACAACATGATTCCGTCGTGAGGAGATGTATCAGAGCAACCTTGCCGGCACTGTGAGCGCCTATGA
TCGCCATGTATTTCTCTGCTACAAAACCTCTGAGGCCTGGCCCTCGCATCTCGAATCTTCTGATTGCGACCTTCT
CCCTAAGCTCCTCTCTGCCGCTCTCAAAGCGCGCAAGGATGATATCTCTCTCAAGACGAAGCTGACGATGTTCT
CGAGACGTTATGAAACTGGATTTTCGGATGGAGATCTGTTGATTTTCCCGACATGATCAAATACAGTGGGTT
GAAAGATTGAGATGTGGATGGCTTTGTTGATGATGTGCTTGTGAATAATAAACCTGGGCATCTGGAGTCCCA
GAGGTTTTACCGGCTCGCACGTGTTTGTGTGTGTTTCATGCTAGTCGAGATCGGAGATGTGGTGTCTGTGGAC
CCATTCTTGTTCAAAGTTGGATGAAGAGATTGAATTACGAGGACTGAAGGATCAGGTTTATGTTAGTCCATG
TTCACACATTGGAGGTCACAAGTATGCCGGAAACTTGATCATATACCAACCTGGTACGGATGGGAAAACCTACC
GGTCATTGGTATGGATATGTAACCTCAGAAGATCTCTCTGAATTGTTGAACAGCACATTGCAAAGGGGCGAG
GTCGTGGAAGACTTTTGAGAAGGCAAATGGGCACAAATCCTGAGGAAGTCCAAAAGGAAGGTGAACAAAA
GCTTCCAAATGGAGAAGATCAAAGAAAAGCAA

>trans_s_2317 AY062823|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g22280; MWD9.6) mRNA,
complete cds

ATAATGGTGGACACGTGCGAGCCTCACTGTCGCTCAACCTCAACCCAGCTGAATGCGACCCAATTCAGTAGCT
TCATCTCGAAGAAATCTGATTCCGACTAAACTGAGATGCCCCATTCGATCAGTGGGCTTTCTTTTTTCAATTCTAA
CTCTCCAATATTTTTTTTTTAATTTCTGTTTTGTTATATTCAAAAAGTTTGGATATTTTTGAGGGATTGCTGTTCTC
AGCTTTTCTCAGTGGGAACACGTTAGTGGATGGTAATTCGGTGAAGATTTCTGCTCGATTTTCTGGGTTTTCT
GTGGATTCTCAGGTTTTGTTTGAAGCTATTGGGTAGGACTGGTAACCTTGATAGCTTTTGGGAAAACATAAAA
CTTGTTGTAATAATGTCAAGACCTTGGGTTCTTGTGTGTCTGCTGTTACTGATCGTCTTCTCCTCACAATTTGA
GTGGAGGCAACAGTATGAGAACGAGCTTGAAGCAGGTCCAAACGCCTCACAGAGAGAACCCCTTATCTCAGA
AAGAGAGGAAGCTGTAAAAGAAAAGATTATCCTGTCCAGGAGAAAAATATCCAGAGATTGAACGAGCTGGT
GCAAAGTCTTAGAAGACAGTTACTCCAATGCAAGGGTGAACACGAGGCCGTGAATAGCACGGTGAAGCCCAT
CACTGAACTTCTAACAGTGTTTCGACCAGCAGCCTATGCTGGATGATTAGTTCCCATGGCACTGACCACCACGGT
TGCTGTTTGCAAGCTCCGTTTCTGTTAGTAATCTAGCTTGATGATGAGTTGAGTCTGAATCAATATTACATTT
TGATAGGACTTAACTGTAGATGTAGAACATTGTCTCCATGTTTCAGCTCTATACATCATTGATAAATGACAATTA
TATATCAAATCTAAGCTCTATTATAAGTC

>trans_s_2318 AY226583|X Citrofortunella mitis leucine-rich repeat protein mRNA, complete cds

AGGAAAAAAAACCCCAACTTTCTCTTCTCTCCTTCTTCTCTCCTTTTTCTATCTTTCATTTCTCCGATTCTAA
TTTTCTCAACAAATTTCTCAATTTCACTTCAAATCTTCGATCAACCCACATAATTTGCACCCCTTTTCTTCAA
TCTTCCAGTCTCAGGGTTAGCCATGTCGGCGACTCGCTTCTGGACTTCTCCACTTCTTCTTTCTCCTTTCCCTA

ACCCTAACTTCTCTTTTTCTCTTGCCTTTTCCAACCTCCGAAGGCGATGCTCTCTACACTCTACGTCGTAGCTTCT
CCGATCCCGATAACGTTCTTCAGAGTTGGGATCCTACTCTCGTTAACCCCTTGTAAGTTGGTTCCATATCACTTGTA
ATCAGGATAAACGCGTTACCCGAGTGGATTTGGGGAATTCTAATTTGTCTGGACATCTTGTTCCTGAACTTGGA
AGGCTTGAGCATCTGCAATATTTGGAACCTTACAAAAACAACATCCATGGAACGATTCCAAATGAGCTTGGA
ACTTGAAGAGCCTCATCAGTTTGGACCTATATAACAACAATATCACTGGAAGAATTCAGTTTCTTTGGGAAA
TTGAAATCTCTTGTGTTCTTACGGCTTAATGATAACCGATTAAATGGACCAATCCCAAGAGAACTTACTGGAGT
TACAAGCCTTAAAGTTGTGGATGTCTCGAATAATGACTTGTGTGGGACCATACCAACAGTGGACCATTTGAG
CACATACCTTTAAACAACCTTTGAGAATAACCCTAGAATGGAAGGACCAGAATTATTAGGACTTGCTAGCTATG
ACACAAATTGCACATAAGAGGTGATGCTACAATATTTACAACCTTAAGAATGAGAAGAATAGGGATTAGGGGG
GGGGAAGAAAAAATGGTTTTT

>trans_s_2319 NM_001065942 | *Oryza sativa* Japonica Group Os07g0295400 (Os07g0295400)
mRNA, complete cds

GGCAAAAGGATTGGATGCCCTAGACTTCCTTCTTCTTAAACCCCAACATTGAAAATTCGAGGGAAGCTTCATC
TCGTCAAGAACGAGTTCGAGTCTCGAATGGCAATTTCGGTTTGAGACGTTAGGGTTTCTCTTCGATCCTCCATT
GCAAATACAATGTTCCGAGCTCAAACGTCCTCCTCCGCTTCGGCACTCCACAATCAACTCCGGCATTGTCAC
TCCTCAATCAACTCCGGCATTGTCACACCGGCGTCCACTCCTGCCTTGGAACTCCATCGGCGTCTCCTGCATT
TGGAATCTTTCTCGACTCCTGCCTTCGGAACCTCATCTACGTCGTCGTTTGCTACCGGCTTCGGCTCCTCTCT
TTTCTCTACTCCATTCTCTCTCAGCCTTCACAACAGCAGCAGCAGTTGCAGCAATCGACGCTGTTCCGCAATC
ATCCGCTACAGGATTCGTTTCCAGACTCCGTTTGCAGCGCCTCAGTCCACTCCATTTCCAAATGCTCAACTGA
CCACTCAGATGGCCCCGGTCGCACCGCTTCTTTCTCCCTGGCAGATCGAGATATTCAAGCAATTGTTGAGGCT
TACAAGGACGACGCAGGAAACCCTAAGTATGCTTTCAAGCATTGTTGTTCAAGTGAAGTATCCTCAGTATA
GGGCGAAGCCTCCTGGTGTATCGGATATAATGTGGGCTGAGGCAATGGCAAAGCTCGAAGGCATGGAAAGT
GCTGATAGAGAGCGATTGTGGCCGAGCTTGTCAAGGTTTAAAGATTTATCTCAGCGCTTGAAGATTCAAG
ATGAAGTCATTCTCTCTGATTCTGAGAGACTACGCATGACCCAAAGCAATGTCAAAATGCTTCAGAGGCATTTT
TTAGCCGATACTCTACCTTGGGTACAAAG

>trans_s_2320 NM_114946 | *Arabidopsis thaliana* clathrin adaptor complex small chain family
protein (AT3G50860) mRNA, complete cds

TTCTAGTTCTGGATTGAACCAACTAGAAATTTTGGTGCTTATACTCACTCCGATTGCTCTAATCGGATTACCC
ATTACGTTGATAGTTCAGATCTAGAAGTTTCGACTCTTTCGGACAGCAACCAGAGAAGATCAAGCCTTTTTGGT
TAGTTTCAGGCTTCTGCACGAGAATTTCTTAGATCCTGACGGCAAACATAGTTTGACTGAGCACGGTTTGCTAC
CATGATACGGTCGGTGATAGTGATGAATACTGAGGGCAAGCCTCGGTTTGCTAAGTTCTACGATTTTCAGCCC
ATAGAGAAGCAGCAGGAGCTCATTGCGAGCGTCTATGGAGTACTTGCAGTCGAGCTGAGAACATCAGCAAT
TTCGTGGAGGCTGAGTCCATCTTCGGTTCCGACTCGCGTCTTGTTTACAAACACTTTGCAACCCTTTATTTGTG
CTTGCTTTAACAGTTCTGAGAATGAGCTTGCCATGCTTGACCTGATACAAGTTTTGTAGAAACATTGGACAA
GTGCTTCAAAAATGTATGTGAGCTTGACTTAGTGTTCAACTACAGCAAGATGCATTTCGATTTTGATGAAATCA
TTTCTGGTGGCCAAGTGCTAGAGACTAGTTCTTCTGAAGTGATGAAGGCTGTTGAAGAAATATCCAAGTTGGA
AACAGCCTCAAAATCTATCAACTTTGTCTCAAAAACAGTTTCTGGTTGGCGGGGTTGAGTTCGTTGGTTTAACC
GAGTTGGCAACACGATTGAGGGGGCATTCTTTAGATGCCTTGCTTGAAATTTTTGCTAGACCTGGTTGTTGGT
TTTACTGGGATAGTGATGAGGCAATCTCCAGCTATATCCGAATCGAAGACAACATGTATTTGCATCATT
AATTGACAGATTTGAGATGGCTGCTGAGT

>trans_s_2321 AY105507 | *Zea mays* PCO119884 mRNA sequence

TTGTAATTTTCCATTGATGGATGAAGATCAAGCTTTGGAATCCATATTCTGAATTTCACTGATTTTCTAAATATA
TATATATTTTTTTCTTTCCAGTGGCAAAAACCTAGCCAGGAAACCTGGCAAACCTGGAGGATTGAGGGCTCG
CTTGTCTGTTGAAGCATTCCATTTCTGATCACAACGACGACGAGGAGGAGTGCAGACCTTGGCGTCGTCGTCTT
TCTATGGCTTTCACATGGCGCTCCGCCCTCAAGATTACCTCTTACTCCTACTTCTTGCTGCTGCTGTAAGTGCCT
GTTTTACCCTCCCAATCGAGAAGATTCTGAAGGACTTTTTACTATGGGTTTCATGAAGATCTTGGCGCTTGGGGT
CCACTTGTGCTGTCTATTGCATACATTCTTTGACAGTGTGGCAGTTCCTGCCTCGATACTTACTCTTGGTGGT
GGTTATCTATTTGGGTTACCTGTGGGCTTTGTTGCTGATTCCATTGGTGCAACTGTTGGGGCTGGGGCAGCTTT
CCTTCTTGGGCGAACTATTGGAAAGTCATTTGTGGTTTCCAAGCTGAAGGATTATCCACAGTTTCATTGCGTTG
CAATTGCTATTAATCGGTCTGGATTAAAGATTGTTTTGCTGCTTCGGCTTGACCGTTACTGCCATTCAACATGT
TGAATTACCTATTGTCCGTGACTCCTGTTTCACTAGGGGAGTACATGTTGGCTTCATGGTTGGGAATGATGCC
ATCACACTTGCATTAGTATATGTTGGAAACACACTCAAAGATCTGTGGAAGGTACACATGGTTGGGGGAGAT
TTTCAAAGACTCGTTGGGCATTATAATATTGGGCCTGTGGTATCGGTGGTTCTGGCGTACTGTGTTACCAGA
GTTGCAAAGGCTGCTTTGGAAAAAG

>trans_s_2322 NM_124567|Arabidopsis thaliana iron ion binding / oxidoreductase, acting on
paired donors, with incorporation or reduction of molecular oxygen, 2-oxoglutarat> (AT5G51880)
mRNA, complete cds

GGAAACACAGGGGAAGAAGAGAAAAATGGCGGGTAGAAGAGGGGAGGGGGATTTCATAAAACAGACCCC
TCTTCGAACTGGCCACCCATTAAACCCAAGCAGAATCTTCAAGTCAACCTGCTGAAAGGAAATGATCTTTTAC
CGTGCCAAGTTTTTTCACATGTGTTGAGTCAAAAAGCATTTCATCAAGGCTGCAGAGTCATTGGGTTTTCTTCATC
AGGGGAGCCTTGGTCTACTAAAGGAGAAGCTTATAGAGATAATGATCGAATCTCGGTGAATGATCCTGATTT
AGCAGACATCATTTGGCGTTCCGGGCTTAATAATCTATTTGCCGATATTAATAATTCGGGGCAAAATTGCTGTTG
GGTTGAATCCAAATATCAGATTATACAGATACAAGGTGGGTGAGCGCTTTGGACGTCATATTGATGAAAGTGT
TGATCTTGGAGGAGGCAAGCGCACATATTATACCTTGTGATATACTTAAGTGGAGGTTCCAAAAACAAAACA
AAAAACGATACGAACAATTCCAAAGATCCTTCATCTGAGCCTCTGGTTGGAGGGGAAACTGTTTTCTATGGTT
CAAGGAATGGTGTATTGCTGAGGTGGCTCCTACTGAAGGGATGGCTCTCCTGCACCTTCATGGGGACAAGT
GTTTGTTGCATGAAGCTCGCAACGTTATGAAGGGAGTCAAATATGTTTTCCGTTTCAGATGTCATATTCTCATGA
TTAGTTCAGGTGTTGGTGACCTCAATGGAAAGAAAAAAGAAATCGAATTATCTACACATGACCAAGAATG
TAGTACTGATGATTTTGGTTGTTTATACGCCTTCTGGTGTCGTGAAAACGCAAAACAATCACTTAGGTAGCC
TCCTTATTTGATTGGATGACCCCCACATATCTCGGTAA

>trans_s_2323 NM_122000|Arabidopsis thaliana integral membrane family protein (AT5G19930)
mRNA, complete cds

TTGGAAGTTGGAACCTCCCCTCGTATTCTCTTTTTCTTCATTTAGATGATACAGATTACTTGATTCTATTTCA
ATTTCACTTTCTAATCCCATTTCCGCTTCAATTAAGCGACTTGAGATCAAAAATGGAGTATAATCTAATTCA
GCCATCTGTCGCGTAATAATCGCATCAATTATCGCTTCCGAGCTTACCGTAGAAAATCGTTGAACCTCTCTG
GAGCTCTTGCCGATTTATTGTCATGTCAACCCATTTGCTATCAACTACAGGTATGGTGCTGTGCTTCTGTAT
TCTTTTTTACTTCATCTAAGCTTACTAAGGTTGGGGAAGAGAAGAAACGAGTCGTTGATGCTGATTTTAAGGA
AGGTGGTCAAAGAAATTGGGTTCAAGTTCTATTTAATAGTGGTATTGCTACGGTTTTGGCTGTGATTATTTGGA
AAATTACTGGATGGCAAGATAAATGCCTGGACTCTAAAGACTCAGCTCTTGTCACTGCTCTCATTGGGGGCAT
TCTAGGGCACTACTCCTGCTGCAATGGGGATACATGGTCTTCTGAGCTTGGAATTCTTAGTGATGCAACACCTC
GATTAATCACAACTTCAAGCCTGTTGAAAGGGTACAAATGGTGCAGTAACAAATGCAGGGCTCCTTGCTGC
TACTGCTGCAGGTGCTGTATAGGACTGACGTTTGTCTCCTAGGATTTTTCACTGCGAAATGTGATTATAGCA
CAACGCTGAAACAGCTATTGGTAATTCCTCTAGCAGCCGTGGCTGGACTTTGTGGAAGTGTATAGACTCTCTT

TTGGGAGCAACAGTGCAATTCAGTGGATTCTGCACAGTTCGTAATAAGGTTGTAGGAAAACCAGGACAACAG
TAAAAAGGATATCAGGTCTCAACATTCT

>trans_s_2324 XM_002324364|Populus trichocarpa bile acid:Na⁺ symporter family protein, mRNA

TTCAAGTTCAATCACCGGCCCTACATTTGGAAAATTTTGCAAAAATCAGATTGAAATGGCCCGTGAGTGAATTA
CAAGTGGGGTTCTCTCGATTCTTACCTCGCAAACATTATCTTCAATTCTTTCCCTACTGGGTAAGAATCTAAA
ATCTCAAACCCCTTTTACAAAAACACTTCCTCCTCTATTGGATTAGTTAACAGCTACTGCTACAATGGCGTCA
ATCTCCAAATTCGCTTTCAATGATTGTAGTATCATGCGATTTGATGCTCTCTACAACCGAAACTTCCACTTCTCA
GCTGGAAAGTTTCAATCCCATCTGGACTTTAGGGGAAAGTTGTGTTTATCTGATAGTGGGAGAAGACGTTTAG
TGGTGGCTCAGTCTATGCTGCTTAAACCTCTGTTTCTTCTGCTTCTCCTTGTCGAATTGGAGTCACGTCAAGGA
AACTCCAAATTTTGTGCAAAGCTGCTAGTGATGTATCTGGAGAAATCGTCCCTGGTGATTCTCCTGATGGAATG
AGCACGTATGAACGAGTTATTGAACTTTAACCACACTTTTCTGTTTGGGTTATCCTTGGAACCATTATAGG
CATCTACAAACCCGCTGCAGTAACTTGGTTGGAGACTGACCTTTTTACTGTGGGATTGGGTTTTCTTATGCTTTT
AATGGGATTGACACTGACGTTTGAGGATTTAGGCGTTGTTTAAGAAATCCATGGACTGTTGGTGTGGATT
CTTGCTCAATACTTGATTAAGCCTATGCTTGGCTTTATCATTGCCATGACTCTCAAAGTCTGCTCCTCTTGCA
ACTGGTCTTATTTTGGTCTCATGCTGCCCTGGGGACAGGCATCAAATGTTGCCACTTATATATCTAAAAGGAA
ATGGTGCACCTTCCGTTCTCATG

>trans_s_2325 AY143874|Arabidopsis thaliana At3g25910/MPE11_6 mRNA, complete cds

ATTTCTGTGTTTCTGGACTCTTCGATCAATCTCCAGCGGCTCAGTTTCTTGTGTTTCTCGTTTCTAACACCATTC
ATCTTCTTTGAAATCTTCTTCTGAAGGGTCTGTTTTAATCATCGACATGCCAAAGATTAGAAGGGCACGCTCTT
TGCTACTGGAAAAAAGTAGGACATCTCCTTATCAAGTCAGCCAAAATCATGCCGATTCTTTAGAATCAGCTCAA
AATGTTAAAGAATGGGAGGAAGCTAGGTGCCCCATCTGCATGGAACATCCCCACAATGCTGTTCTTTTAAAT
GTTCTCTCATGATAGAGGTTGCAGGCCTTATATGTGCAAAACCAGCTACCGCCACTCGAATTGCTTTGATCAA
TTCTGTAAGTTATATGGACAAATCCCTTTAATTACCGAATTGCAAGAAATTCCTTCTACACATGTAGTCTCTCAC
AGACAAATGGTTGAATGTCCACCTGCTGGACAATATGGACATGGTAGGAATCAGCTTGCATCGGAGTTTGT
GCCCCGTTTGTGCGGGCAGTATATATGGCTATATTGTAGTTGAGCCTGCTCCCCTGTTTATGAATTCCAAAGTA
AGGAGTTGTTTCATCAGAAAATTGTGATTTTAGCGGCACGTATTCTGAACTCAGGAAGCATGCCAGGTCTGAAC
ATCCGAATGTTTCGACCATCAGAGGTGGACCCAATGCGTCACCGTGATTGGATAAGATGGCAGTGTGAAAGGG
ATTTTGAGGATATTGTTAGTCTAGTGCAGTCTAACTATGCTGTAGACAGTGATGGAAAAAGTTTTACAAGGGC
TATTAGGGTTTGGACGTCATCCTTTGTTACTGAAATGTATGATTCGCCCATGGACTTGCTTTCAGACAGTATGT
TGGATGCTTTGAGAGACTTTGAGTCATTG

>trans_s_2326 AF452450|Glycine max adenosine 5'-phosphosulfate reductase mRNA, complete cds

ATATGGAACCTCTTGCGGACCATGAATGTGCCTGTCAACTCTTGCATTCTCAAGGATATGTCTCAATTGGATG
TGAGCCTTGTAAGGCCTGTTCTTCCAGGGCAACATGAAAGAGAAGAAAGATGGTGGTGGGAGGATTCCAA
GGCCAAGGAATGCGGTCTTCACAAAGGAAACCTTAAACAGGGAGATGTTCCCCAGTTGAATGGCAATGGAAA
TGAAATCCCCCTGTAAATGACATCTTCATCTCCAAGATTTGGTGAACCTGAACAGAACAGGAATGGAAAAT
TGCCAAGGCTGGATAACAGGAAAGAACCGTGGCTTGTGTTCTTTACGCACCTTGGTGCCAATTCTGTCAGGC
TATGGAAGGGTCATATGTTGAATTGGCTGAGAAGTTAGCAGGAAGCGGAGTGAAAGTTGGGAAGTTCAGAG
CTGACGGTGAGCAGAAGCAATTCGCCAAACAAGAGCTGCAGTTAGGCTCATTCCCCACAATACTCTTCTCCCC
AAACACTCATCTAAAGCAATCAAATACCCATCTGAGAAGAGGGATGTTGAGTCGTTGATGGCCTTTGTGAATG
CCCTACGTTGAAGCAAAGTTCAAGTCCTGAATATTCTCAATCACACTCGGCTGCGCCATCTATGAAGCTAAAT
CTCCGGCAGAGACTCCAATCTTTGTTAGATTGGAAGATGAGATTAAATCAAAGCTTGGGCATGCTTTTTCAA

GCCAGAGAGCGAGCATTCGGTCATGAAAAATAGGATTTTGTCGTCATTTGTGATATAGCAGATGTATATATA
CCAGTTTTTCCCGTAGAGGTTTTGGTTTGTACTAATTAACGTTTGTGCAAAGATGGGATAGAACGAGGAACCA
TTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2327 NM_125258|Arabidopsis thaliana ROC7; peptidyl-prolyl cis-trans isomerase (ROC7)
mRNA, complete cds

AAGGTTATTGTGAAGGTATTTTCTTTTCTTGAAGTGAGAATTTCCCGGCGAAATGGCTAAGACGGCGTCATT
CATTTTATGTACCTTTCTGTACTAGGAGCCCTAACTCTCATCCAGGCAAAGAAGTCGAAGGAGAATCTGAAA
GAAGTGACTCACAAAGTTTATTTTCGATGTGGAAATTGACGGAAAAGCTGCTGGTCGTATTGAAATGGGTCTCT
TTGGGAAGGCTGTTCTAAAACCGCTGAAAATTTCCGAGCATTATGCACCGGTGAGAAGGGTGTGGGCAGAG
GTGGAAAACCTCTACACTACAAGGGTAGTGCATTCCACAGGATTATTCCCAGCTTCATGATTCAAGGAGGAGA
CTTTACCCTCGGCGATGGAAGAGGTGGAGAATCAATCTATGGAGAGAAGTTCGCTGACGAGAATTTCAAGCT
GAAGCATACTGGACCAGGCCTCTATCTATGGCAAACGCTGGTCCAGACACCAATGGTTCACAATTTTTTCATCA
CAACAGTGACAACCTAGCTGGTTGGATGGTAGACACGTAGTATTTGGAAAGGTGCTGTCAGGAATGGACGTGG
TTTATAAAATCGAAGCTGAGGGAAGGCAGAACGGAACACCTAAGAGCAAAGTTGTGATTGCCGACAGCGGC
GAGCTCCCTCTATGATTTAATCGACAACAGGTCATCTTTTTTTTTTCTTAATCTTCTTTCTTTCTTTCTATC
TAAGAGCAAAGGATTAGACATAGTATGCCCCATTATCATCCACTCGCTTTTCTTGATGTTCTGTTTATGGTAA
AATTGGTGGTGGTGCACAACGGACCTCTTTTTATAGCGGTGGGTTTTGGTTTCTTCCCCTTCCCTTTAAAGT
ATGTTTTGATCTCCAATCTACATCATTTGCC

>trans_s_2328 NM_001051542|Oryza sativa Japonica Group Os01g0882300 (Os01g0882300)
mRNA, complete cds

ATAGTCGGAGAGTAGTCTTTATTTTGGTAAAACCAAATCAATGATTTTGTTTAGATCTCTCATTCAATTCATCAT
TCTCTCCCTCTTTTTCTTTTCGATCTAAGTAATCTCCTCCCTCTCTCCCTGTTGTGTTCAACACCAGTCTCAAAGC
GCCGACAATTTTTCTCAAACATTTACCTACGATCTGTGTTTCTCTCCCCTCAACATCCCACATTAATTCCTTTTC
CACTTCCCAACTCACTCCCTTCCCATTTCTGGGTCCTCTTCTCAATTCTGCTTTCATTCTTCTTATCTTATGATAT
GGTTTCTTAACCTCCAACCTAGGGTTTCTCTGCCATGGCAACCACTCAAACCTCCTAGCTGGCGGGAGGGCAT
GTCCTCTGATAATATTAAGGGCTTGGTTCTTGCTCTTCTTCCAGTTTTTTTATTGGTGCTAGCTTCATTGTTAAG
AAAAAGGGCTTGAAGAAAGCCGGCGCTTCTGGAGTCAGAGCGGGGGTTGGAGGCTATTCTTACCTATACGAG
CCTCTTTGGTGGGTAGGCATGATTACAATGATTGTTGGAGAAATTGCTAATTTTGCAGCTTACGCATTTGCTCC
AGCTATACTAGTTACCCCACTTGGTGCTCTCAGCATAATTATCAGTGCACTGCTTGCACATATTATATTGCGGG
AGAGGTTGCATATTTTGGAAATCTTGGCTGTGTTCTGTGTAGTGGGTTCCACAACCATTCGCTCCATGCT
CCTCAAGAACGTGAAATCGAATCTGTAAGTGTGGCAAATGGCCATGGAGCCTGCCTTTTATTGTATG
CAGCATCGGTTATTACAGCTGTGTTTATACTTATATTCCACTTTATACCACAATATGGCCAGACTCACATTATGG
TTTACATTGGTGTATGT

>trans_s_2329 NM_124697|Arabidopsis thaliana PTB2 (POLYPYRIMIDINE TRACT-BINDING PROTEIN
2); RNA binding / nucleic acid binding / nucleotide binding (PTB2) mRNA, complete cds

ATATATTTCAATCGTTTTAGATTATGCTTACAGAAAAGCCCATCGAAATCTTCTCCCTTTCCAGCTCTCCGTGAA
ACCCTAACTTCCATATCCTCACCAATTCCTTGCTTTCCTCAGGGTTTATCTTTAATAATCTCAGTGTTCTCCTGTA
AGTTGGGCGAAATGGCATCAGTTTCTAGTCAGCCACAATTCGTTACACCAACCACCGTCAAAGGTTCTCCAC
TTGAGGAATTTACCTTGGGAATGTACCGAGGAGGAACCTATTGAAGTGGGAAAGCCATTTGGAAAAGTCGTG
AATACAAAATGTAATGTTGGAGCAAACAGAAATCAAGCTTTTATTGAGTTTGCAGACATAAATCAAGCTATTG
CAATGATATCATATTATGCATCTTCTCTGAGCCTGCTCAAGTTAGAGGAAAAACTGTCTATCTGCAGTATTCTA

ACCGGCAAGAAATTGTGAACAATAAAACAACAGCTGATGTTCTGGAAATGTGCTTTTAGTAACAATTGAGGG
CACTGATGCACGCCTTGTGACGATTGATGTTTTGCACTTGGTTTTCTGCCTTTGGATTTGTGCATAAGATTAC
TACCTTCGAGAAAAACAGCTGGATTTCAGGCGTTGGTGCAATTTTCGGATGCGGAGACTGCCTCATCTGCTAAG
AATGCCTTGGATGGGAGAAGCATCCCTAGGTATTTGCTTCCGATCATGTTGGACCATGTTCCCTTAGAATCAC
TACTCTGCCATACTGATTTGACTGTGAAATTTAGAGCCATCGAAGCAGGGACTACACTAATCCTTATCTTCC
TGTTGCTCCATCGGCCATAGATGGAAGTGGTCAGTCACCTTTGCAGTTCACCGTGGGTTTGGATGGAAAGAAA
CTCGAATCAGAGAGTAATGTTCTTCT

>trans_s_2330 AY054655|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AGGTTATTTTTGCAAAACAAGGTCGATTGCTCAGTGTTCCTTCGGTCTTGAGCATGAGCCACAAGAAGAGCTC
CAAAATTCAGGCTATCTACGACCTTTGTAAGAAGAGTTTAACTCCCGCCAACTCTCCACTTTCTTCTCAAATAT
CAAGAATCTATGTACCTTTTGGACACGGTTGGCGCGGGGGATGTTGGGCTTAAAGAAGAGAATGTTGATGA
CGACCGAGGGCATGGGCTTTTTGGACTGAGCCAATTGAATAGGATAGCTCGATGGGCTCAACCAATTACATAT
ATTGACATATGTGAATGTGAAAATTTTACTATATGTATATTCTGCTTTCCAATTCTTCGTCATTCCGCTTCACG
ACCATCCTGGGATGACTGTGTTGAGCAAAGTTCTCTATGGTTCTTTCATGTCAAAGCCTATGACTGGGTTGAA
CCTCCCTTCATTACAGGAAAGCAAGGGCTCCCCATATTTTCAGCAAGGTTGGCTAAGTTAGCAGTTGATAAAGT
TCTAACTGCATCAAGTGCAACGTCAGTTTTGTACCCAAAGGCTGGAGGTAATATACATTGTTTCACTGCGGTTT
CGCCTTGTGCTGTGCTTGATGTTCTTTACCTCCTTATAACGAGGATAAAGGAAGAAGATGTACATACTACCAC
GACTACCTTATTCAACTATTTCTTCAGATACCAAATCTATCTAAACGATGAAGAAGTAGAAGATCATGCCTG
GCTTGCAAAAATCGAGACCCCTGATGATCTATATATGCGACCTGGGATGTATGTTGGTCCCACTATTCAAATTT
AGGTGTCAAATAATCCGGGATTATTGAGGTTCTTCACGATCTACCAGGAAAGCTGCTTCTACCCATAGTTTAA
CTTACTAGATTAGCTCTTGAGAGGAA

>trans_s_2331 AL161581|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 77

ATTACGTTATCGTCTCTTCCGTTTTGCCCTACACTATCCATTTCTCTCTCTTCGTTTCACCTACAATCCCACCGAT
TATTCTTCCGTTTCTATCATAGAACTCATCAAATCCTCGGAATTTTCTCTCGTTTAGTAGTTTTGTTTGTTAATCT
TTCATCTTCAATTTGTGCAGTACCCGAAACCCTAATTTCTGTTGCCTTACCTTCGAATCTGTCGCAAATCTTTGA
TCTATTAATCGAGAAATTTGCATCAGTTTCTTTTTTTGTTTTGTTGTTGAAAATTTTGTGGCGATTATTGATT
TATATATTTTTTTTCTTTTACTCTTCGTCGGACTTTGGGCGTTGTCTGGTTTCTGTTTCGCTGCCCGGAGATTGGT
TTCGCCAATAAAATTTCTGTGCTTCGAGGAATTTTGAATCCGACCTTTGATTTTACGATTTTATTGTTTTGGT
TGATCTGTTTTTTCTTAATCTGAAAATGGTCGGTGGTGGAAGCAGGAGGGACGAGGGTTCTTTGGTTATCAAC
AACACCAATGTTTTTGAGCCCTTGAGACTCTTAGGAAGAAGAAGAAGTCTGACAAGGAACGCAAGAATAAA
GGGTCACTAAGTCTCAGTCGTCAGCCTAAGGAACCTGAACCTCAAGTTTTTTGGGCACCAGCTCCATTAAC
TTCAAATCATGGGCTGATGTCGATGATGAAGATGATGACGATTACTATGCCACCACTGCTCCGCCCCAGGCT
GTGTGGGGCTCCTCAGAGGCTCATGAGAGCAAGGAGAGGCCGAGCAATGCAGAGGAGAGTGAGAGTGATG
ATGACATCCTCGATGAAGTTGATTATGAGCTTGAGGATGAACACGAACACGAGCATGAGCATGAGCATGAGC
ATGAACAGAGGGTCTGTGCA

>trans_s_2332 XM_002894323|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata dynein light chain type 1 family
protein, mRNA

AATTTCAAAGATTCCATCACATTTGGAAGAGGGGCTTCAGAGGCTTTCCTTGATATAATCATTGTCCATTT
ACTTCCTTCATTCTGTTTCTTTGTTGCTTTATACCCTTGGAAGAAGAAGCACTTGAGTTTGGGATAATCTTTTC
TGGGTTTTGAAGATAAGACTCAAAGAGATCTCCGAGAGCCAATCCCTACCAGTTTTCTTTTCAGCAAAGG
GGAAAGGATGTTGGAAGGTAAAGCTTTGGTACAGGATACAGATATGCCTGGCAAGATGCAGATCCAAGCCAT

GGACGCTGCTTCTAAAGCTCTGGATCTCTATGATGTTTTTGA CTGCAAATCCATTGCTGCCACATAAAAAAGG
ACTTCGACAACAAATATGGAAGCGGATGGCAATGTGTGGTTGGTTCAAATTTTGGTTGTTTCTTCACCCACTCC
AAGGGGTCTTTCATCTACTTCAAACCTGGAGACCCTCAACTTTCTCATCTTCAAAGGGGTGACTTCTTCGGCCCC
ATGATTTTTAGTTGTGTTTTCTCTTAATTTGAATCTCTAGAGAGTTTGAGACGCAGAAACAATCGCTTTCCTTTC
CTGTGGCTACGTCAATTCGATTGAAAGGGTAAGGTGCAATTGAAGAAGCGTAAGGGAGATGGTAGGAAACG
TACAAATTGACATTGTGGAATTGTTGGATGTTTATGTTCAAAAAGCTTTTAATGCTTTTGTGGGTATACTATGT
AAATATTGAAATCAGGGGAGACGGTCTTAATCCTTTTACGTATTTTCATTGCCCTTTGCTTCGTTTTCTATTT
TCTGTAAAGATTGGCTAATTATTGGATAAAGAAAATCAATTACAGAAAATCTCCTTGTTGATTGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2333 NM_001057774|Oryza sativa Japonica Group Os03g0744700 (Os03g0744700)
mRNA, complete cds

ATGGATTGTAATTGCCCGTCTTCTCAACTAAATTACGCCATATTCATTTCCCTCCATCTCCTCCCCCTCTGCATT
TGATCTTCATCTGCATCTTACCAGGTTTAATGTCCTGTCTTGAATCTGTTTGAAGGAAATTCTATGATGGTTCA
GTCATGTTGACGGTATATCCGCCGGGAGCTAACAGGAAATTTCTGGCATGTCTAGACTTTATTCCTCTGTCTGA
GGCATCTTATGCTAATTCCTTAATTATAGTACCTCGGTATCTGTATGCCCTCTAAAGAGTTCTTGCAATACCAT
TATACACAATCCCTCATCTTTTAAACGGTGTACTCAATTGAATACTCATTGTGTTTTGAACCGATCTTCATTAG
AAGATGCCTATGCCGCTCAGATAGCTCCCCACCTCCTCGGATGATGAATATCGCTCTTCCCGCAATATAGCTA
TCAGTTTGTGTTAGACGATATCGGAATTTTGTGATCGAGGAGGAGGTGACAACTTAAAGGATTTTCATCAGTGC
TGGGGTGAATGCATATGCACTTGTTGTACTGATGAAGGATTAAGAAAAGAACTTATTGATATGAAGGAAGC
TGGTCTTGAAATTGAAGTAATGCAAAGTTATGGTGGAAGTACTGGTTTGAAATCCAAGATTATCTCAGGGGAG
ATTGAAGAATGCATTCTGTGGTTGAGTATTATATTCATCACCATCTTGTGTACACCACAACCAACTGTAGTTAG
ATGGTCATCAACACCTCCGGTTTCGGATGAAATAAGGCTTCAGTGGAAGGCTTTTGTGCTCTCATTGCCAATG
CATATTATGTTTCGAGGCATGGCATGGCTGCCTGTAAAACTTTACAACCTAGAACAATGGCAGTAGTANGTCG
AGCTGAGGAACCTTCCGTAGTTGCTA

>trans_s_2334 DQ997703|Populus trichocarpa CBL-interacting protein kinase 13 (CIPK13) mRNA,
complete cds

AAAACCAATTGCAATGGCAATTTAGCAAAAGGCTGAAGAAAAGGACCCACCTTATCCAATTCCTTCCCGCCC
CCCTTCCCTTCTCGTTTTCATTTTCTCCTTCTTTTCTCCAATTCTAAATCCCATCATTCTTTTCCCAATAATA
CTCCATTTTAAACATTTGCCGTAAGGGATCCTCAGCTTTTCTGGGTTGTGGAGAATGAACGTCAAAGCTCCGGC
GACGAGGACTCGGGTTGGGAAGTACGAGCTCGGTAAACCCTCGGCGAGGGAACCTTTGCTAAGGTCAAGTT
CGCAAAAAACGTGAGAATGGTGATTATGTGGCCATTAAGATTCTCGACCGGGAAAAAGTTCTTCGCCACCG
GATGGTGAACAGATTAAAGAGAGATTTGACTCTCAAAGTGGTCAAGCATCCGAACGTCTGTAAGATTTAT
GAGGTTATGGCAAGCAAATCAAAGATCTACATTGTTCTTGAGTATGTGGATGGAGGCGAGCTTTTGTACAAGA
TAGCTGCAAGGGAAGGCTTAAAGAGGATGAGGCAAGGAAATATTTCCATCAACTTATTAATGCTGTAGATT
ACTGCCATAGTAGAGGCGTGACCATCGAGATCTGAAGCCTGAAATCTTCTTCTGGATTACATGATGTTCTT
AAAGTGTGAGATTTTGGATTGAGTGCATTTTCGAGCAAGTACGAGGGGATGGTCTTCTTCACACTGCCTGTG
GGACCCCAAACTACGTTGCTCCTGAGGTCCTCAATGATAAAGGTTATGATGGTACATCTTCTGATCTTTGGTCA
TGCGGGGTCAATTCTCTTTGTTCTTATGGCTGGTTTCTTGCCTTTTGACGAGCCAAATCTAATGTGTTTGTATAGA
AAAATTTCCAAGGCTGATTTTGCTTTCTT

>trans_s_2335 NM_001058427|Oryza sativa Japonica Group Os03g0848300 (Os03g0848300)
mRNA, complete cds

ACTTTTAATTAAGTTCTTCGAGTCTTTCTTTCTCTAATTTCTTTGCTTTCTCCGGCGTCGGAGTTTTGGAGTTT
CGGCGGCACTGTGCCAACAAATTTCTACTCTCACCAGTTCACTGCACGATCCCCCTGTTTTCTCCATCCAAGTT
CTCACTTCAGGGCGCCAATCTTTATCTCCCAAACTACTCTCTCCAATTAGAAATGGCAACTTCTTTACGCTTG
TATTTGACGTGCATACGGAACACACTTGAGGCCGCCATGTGCCTTCAGAATTTTCTTGTCAAGAAGTTGAAA
GACACAACAAGCCGGAAGTTGAACTAAAGACCAGCTCAGAATTCTTCTCAATCCTATCTTAATATGTAGAAAT
GAGTCAGAGAAGTGTTTGATTGAGACATCTATAAACTCTCTCCGCATCAGTCTCAAGGTTAAGCAGACAGACG
AACTAGAGAATATCCTAACTAAAAAGTTTCTTCGATTTCTGTCAATGAGGGCAGAAGCTTTCCAGGTGTTGAG
AAGAAAACCTGTACAGGGATACGACATTAGCTTTCTCATAACGAACTATCAATGTGAGGACATGCAGAAACAA
AACTCATTGATTTTATTGTACAGTTTATGGAGGATATTGATAAAGAGATTAGTGAACCTAAAATGTCCGTGAA
CACTCGAGGAAGGCTGTAGCAACCGAGTTTCTAAAGCAATTCATATGATGTCTTTTTCCATCTAANGCCTT
CAAAGATTTTCAAACCTTTTCGCGAGGAGCTTTGACGAGCGAGTGGGAGACCGACGAGAGTCTCGGTCAATCC
ACCCTATTATTGTGAAATTATTAGAGATTTTAGACTTTTCTGGTCGTCTAAAAATAAGATGTGTGTCCATTGGAT
AGGGTTATTAATTATTTTGATCATTTT

>trans_s_2336 Novel Gene

CCCCTCTTCCAATACCCGCTCTCTCATCATCATCATCATCATCATCATTCATCCATAAATCCCCATTTCTCCTC
TTCCCCTTTTCCGATTTCACTTTTTTCTTTTCTTCCGTCTCACTTTCTAGATCCATTTTTCATCCTACCTTTTGCG
ATTCCCTCATGCTCCTCCTTCTCCATCCATTCTTCTTTGATTTTGTCTTTTTAATTTACATGACTCTTGGAATTC
AAGAAGCTGAGAAAAGGGGAGTTCCCAATCCCAACCATTTTCTTAATTTGCACCAACCTCTCGAAATCATCAC
TATTTTCATGGATGCATCCTCCAATAATTCCAATTTCCGTTCCGATTCCACCAATACGATTACGTATTACGCCGCC
GCAGCACAAGACCGCCGTAAGGTCGAGTATTGCGATCTCCATCCAGGGGACACCACGTCGATTGGTGCCG
GCCGCCAGCTATTTAGGGGTGCTGCTGTGTTTGGCGGCGTCGTTGTTGATTCTCCGTTGGTTCTACCGCCGCT
GCCGCCGCCGCCCTTGATGCTGCTGCTGCTTCTCCGATTGGGATTTTGGGAATGCTAATGGTGTTAGCCTTTA
TGCCTTCTAATGACACCAAGGATATAACCTCTTCTCTCATACATATATGTAATGTAAATGTTTCGATCATTTTTT
TTTTTCTTTTTTTTCTTTTTGGGAAAATTTTGTATGTTCTTTAATTTCTTTGCACTTCAACAAAAGAAGAAGGA
AAAAAAAAAAGGGATAGATTGGAAATCGGTTCTTTGATTACTTGAAAAAGTTTAATTTGTTAGATTTAATAAT
GATGATCATGAATCTGGCTGCTTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAA
GAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2337 AY773090|Cucumis melo glutamine synthetase mRNA, complete cds

TAGTAGGATCTTTGTTTCTTCCATTTTAACACAAGCCACAGGAGAATCTCTATCTCTATCCTGCAACCTTCATC
CCCACATTGTTCTTCTCCATTATCGGAAAAACCCAGTACAGGGTTTGCTTTCCGGCCACTATCCGGTTGTTCTA
GTAGAGGCAAAAACAATGGCTCAGATTTTAGCTCCATCCACTCAATGGCAACTGAGAACTAACTGACTTCAA
TGAGTTCAAGCCCCATTACTCCTAAGATGTGGAGTTCCATTCTTCTGAAGCAGAACAAGAAAGGAGCAGTAAA
AAGCTCTTCAAATACAGAGTCTTGTCTGTAAATCTGTAGGTGGCACAATCAATAGAATGGAAGATCTACTA
AATTTGGACGTCACTCCATATACCGACAAGATTATTGCTGAATATATCTGGATTGGAGGATCTGGCATCGATTT
GCGTAGTAAGTCGAGGACCATATCAAAGCCTGTGGAACATCCATCTGAGCTACCCAAGTGGAAGTATGATGG
ATCTAGTACTGGGCAAGCACCTGGGGAAGACAGTGAAGTCATTCTCTATCCTCAAGCAATTTTCAAGGATCCC
TTCCGTGGTGGCAACAACATTTTGGTGATTTGTGATGCATACACACCAGCAGGCGTGCCCATCCCTACTAACAA
ACGACATAGAGCTGCTGAGATTTTACGCAACAAGAAAGTTGTGGATGAAATTCCTTGGTATGGCATAGAGCA
AGAGTACACCTTACTTCAGACAAATGTGAAGTGGCCTTTAGGTTGGCCAGTTGGAGCTTATCCAGGTCCTCAG
GGCCCTTATTACTGTGGTGTGGAGCTGATAAGTCATTCCGTCGAGACATATCAGACGCCCACTACAAGGCTT
GTTTATATGCCGGAATCACATTAGTGGCACA

>trans_s_2338 NM_100342|Arabidopsis thaliana MEE4 (maternal effect embryo arrest 4) (MEE4)
mRNA, complete cds

ACGCTCGGGTTTCACTGTTTCCCGGGTCCACTGTTTCCCTCTGACTCTAGACTTCAGCCTCTCCTTCATCTCTT
TCAGGTTCTTTTCGTCTTCGAAACCTCCCAATTCCCAAATCCCATTCTCCATTGCAGCCAACTCTTGCTTAATTTCG
TCCACTTGATCGTCGAAAAAGCTCTCTGAGATGACGGAGGCCGCGATTTCGGAAGAAGCCTGGCATGGCTAGC
GTCAAAGATATGCCGATCCTCCAAGACGGGCCACCGCCAGGTGGATTCCATCCGGTCCGCTACGCTCGCCGGA
TTCCCACTAAAGGCCCTAGTGCCATGGCCATTTTCCTTACTGCTTTTGGTGCATTCTCTTGGGGGATGTATCAG
GTCGGCAAGGGCAATAAGATCCGAAGGGCGCTGAAAGAAGAAAAATATGCAGCCCGGCGAGCAATATTGCC
TGTGCTTCAAGCCGAGGAAGATGAAAGATTTGTCAAAGAGTGGAAGAGTTACCTCGAATATGAGGCTGAAGT
TATGAAGGATGTGCCTGGTTGGAAAGTTGGTGAAAGTGTTCACAACTCTGGAAAATGGATGCCTCCAGCAAC
CGGTGAGCTACGACCCGAAGTCTGGTGATTTTGTTCAAACAGACTCATTTGTGGTTGACATGTAGTTTGGTTT
TGTATTCTTGCAACTTATCCTCATATGGGTTTCTTGATTGCTGGTTCATGGCTCTCCTTAAAAAATAAAAGCA
TGTCAAAATTTCTTCAAATGCTTTGCAAATACTACTGCTAAAATTGTCTTCTTTACTCGGCGAACAGCTCTTTCTA
CTCATGTATCTCACTAAAAAGTTCGGACTTGGAATTAGATATGAATTTATCTTCTTTTCTTTTCACTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2339 XM_002319760|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS56),
mRNA

ATCTTTTCAAACATCAACCCCAACCTTCCCATTTTCATCACCCAACTATTCTTCTTCCATTCACTTTCACCGAAT
AACCCATTTCTGAATCACCTTTTTCTTTCTTTTCCATTTTCTCCCTAATTTCAGGTTGATTTTGTCTTCTACT
GTTGGAGACTGGTAACCAGCAATTTGTTGTTAGTTTTCTGTGAAAAAGAAAAAAAAAACCTTTGTTGTGTTAGG
TGGGGGATATAATTCTCTGCTACAAGAACTGATGCTAAGTGTATAGCATGGACTCTCATCAACTCTTTGGATT
GGGGTTAATAGTGCTGCTGGTCTTTCAATTACATCTCCCTGTTCCCTCCGTTCTTCTTTACCTAATACTTTGCTTG
GACCCTTGAAATTCAATTTAAGTAGTTCCCCGGCTTTGTCTCCTCTATTCTCTTCGAAAAACAATTCGATTCCTT
TACGACGACGACTGTGAGTGGTAGTCCGGATCAAAGAACTCCCCAGATAATCTCTCTGGACTTAGCCCTTCTT
GTAATTCGTCCTTTGAAACCAGTAGCTTTATCCAAATAGCTTCATCGTATTTGGATCATTTTGAGGACGAGAGT
CGGCAATTGCATTCCGGGGTCAATGCGTTTGTTCATGACGGATACTCCGCCGAGAACATAAGCTACACTTTGA
AACAATTGGAGAGTGTTCTGATGGGGCCGATAATGAGGAAGTTGTGAGCAAGCCTGATGTTTCGTTTGGAG
TGAGTGGCAGGCCACAGATGATGGGGCAGAGGTCTTACTCATGGAGCCAAGATCGACGTGGTGGGTCTAT
GGTGTTCAGTCTCAGGCGTCGCCAGTGTCAAGAAGCCAGCAATCCGAGGCAGTTCACTTGGGGAAACGACAG
AGGTCTCGTTCGTCCTCACCACC

>trans_s_2340 AJ414052|Nicotiana tabacum partial mRNA for serine acetyltransferase 4 (sat4
gene)

TGGACTTCCTTCGGCGATATCATTATCCATTATCAAAATCAATCACCGGGTATTTCACTTTCCGGGAAAATCTC
TCATTTTCTCAAGAAAATTTTCATTTCTCTCCCCATTATGAACCTTCCTTATATAGACCTCTCTCTCGCCTC
CACATGTCCTTCATCCCCATTTCTCTCTTTATTCTCCCTTTTCCCGACCTTCATCTCTCTCCCATGGCCGCCGC
TTGTCTTCCCCTTCTCCGACCCTAATTCCTCTCTCAAATCCTCAAATTCTGCCGACCCACTTTCTCCGATCATC
TTTCTTCTTATCCATTTCCCAAATCCCAAATAACCCACGATTCTCTTCTCCCCCTTCTCTGACTCCGATCTC
TGTTTCTTAATCCGTCAGGAAGCTTGTTCCGATGTCGAACAAGAACCATTGTCCAATATTACATCACTTCT
ATTCTCACACATGCTTCCATGGACAAAGCCCTAGCCAACCATCTCTCCATTAAGCTCTCTAATTCTAGTCTTCCC
AGTTCTGACTCTGTTTCAATTGTTTTCTGATGTTTTAACTGATGATGGTGGAGAGATTTTGCGATGTGCGGTTAG
GGATTTGAAAGCGGTTAAAGAAAGAGATCCGGCTTGATTAGTTATGTGCAGTGTTTTCTGAATTATAAAGGG
TTTTTAGCGGTACAATCGCATCGAATCGCTCATAAACTTTGGTCTGAAGGGAGGAAAGTTTTGGCTATGTTGA

TTCAGAACAGAGTATCTGAAGCTTTTGCTGTTGATATTCATCCTGGTGCGAAAATTGGATGTGGGATTTTGCTTGATCATGCGACGGGCGTTGTTGTTGGCGAGACAGCGGTGATCAGAAACGATGTTTCGATTCATCACCATGTGACATTGCGTGGTAC

>trans_s_2341 NM_103048|Arabidopsis thaliana PGY2 (PIGGYBACK2); structural constituent of ribosome (PGY2) mRNA, complete cds

ATATAACTCGTTTCCTCAGCATCCCTCCGCCTCCTGCCGCAGCCTTCCAAGTTTTCTGCCGCCGCTTCCCTGCGTCTCTTTTCAAACCTTGAGAGTTAAATATGAAGACCATTCTTTCATCCGAGTCTATGGATATCCCAGATGGGGTCAAATCAAGGTGCATGCCAAGATCATCGAGGTGAAGGCCCTCGTGGTAAGCTTGTCGCAACTTTAAGCACCTTAATCTCGACTTTCAACTTATCACTGACGAGGCTACCGGCAAGAAGAAGCTCCGCATAGAGGCCTGGTTTCGGGTCCAGGAAGACATCCGCTGCTATTAGAACCGCTCTCAGCCATGTTGAGAACCTTATCACTGGTGTCACTAAGGCTACCGTTACAAGATGCGTTTCGTCTACGCTCACTTTCCCATCAATGCTAGTATCACAAATGGCAGCAAGTCTATTGAGATTGCGAACTTTCTTGGTGAAAAGAAGGTGAGAAAGGTGGATATGCTTGATGGAGTTTCCATTACCCGATCTGAAAAAGTGAAGGATGAGTTAGTTTTGGATGGAAATGACATTGAACCTGTGTGCGCGTCTGTGCCCTTATAAACAGAAAATGTCATGTCAAGAACAAGGATATACGGAAGTTTCTTGATGGTATTTATGTCAGCGAAAAAGGGAACCATAGTTGGAGCAGATGAGTGATCAATACAATTGTAGGTTATATCTGCACTTAGTTTCAAGAGTTTGTGATGTTTCTTTTGTGTCCTATCTTGAATAACATTACAGTTTTGTTTATAACAGTTTTTATGTTAAGTCACAAACAATGCTCAGTAACTCTTTTCACTTGATTTCTACTTTCGAATCTAATAATGATGATCTTTAGGTCTAATGCGTGCAATTGCATTAACATTATATTGATC

>trans_s_2342 NM_122027|Arabidopsis thaliana nucleoporin-related (AT5G20200) mRNA, complete cds

TGAAGCCAGGAATCTGGCCGTAGAGTTAGATTCTCACGAAAAAAGCGAATCAAGTAGATCAGATCTCTCCCCC
CCAGCTGAGCAATACAGGAAACACTATGTCCACGATTCTTCAAAGGAGAGTGCTGGCAGAAATTCTGATGCT
GCAAACCAATATCCTTCTGGTCTGAAGTTTAGATTTAGCAATGCTGAACCAAAACACCAGGGTGATGCAGGCT
TAAATATTGGTCGCTCGTCGCTAAGGTTGTTCCAAAACTGTTTCTGTTCCAGCTGTTGGAACCGCAGTGGG
GACTCAAATTATGCCTTCTCATCTTTTGGTGTAACCTGTTTTTCCATCCATTACCATCAACAAGCCTGAGTC
GAAATGGGCATTCTCCTCTGACAGTGGTTCGGCATTACTTTCCCTGTTCCGGTGCATCCTCAGGAATGCTCT
CAGAACCACCAACACCGTCCATCTTTCATCAACAACAACAGCCTTGGGGGAAGTCAGCCTCTATTACTGAA
GCCTGAGGCTCCAGTTCCTTCATACAGCTTTGGCTCAAAGAAGTCCAGCCCTAGCCTTGTTTTCTCATTCCCTTC
AACAAACAACGATACAATCTGCACTGAAGCCTCAAATATAAAGCTCAGCTTTGGATCCAATGATAATACAAGA
CTTTCCTTCAGTTCTGTTGGAAGATGCAGTTTGTGCTAACTGATTAGACTTGTCAGGTACAGTTTAAAGTTG
AACATTGGGGGAAAGAACTTATGGCAAGTGCCTATTTCTTAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAACAAACA
GGAAATTGCCAATTCAATCAAAATGACTACTTTTCTATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2343 XM_002322156|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA908), mRNA

ATTGGTTTTTGGCTGTTGGATTCTTCTTCTCAGTTCTCTCGTGTTTTTCGATTTTTTACTTCGATTGCTACCGG
GAGTCGTCGATTGGGCGGCGGGAAGTGACGTTGAAATGTCCGATGACATTCACGGCGGCGCTTCACTTCC
ATCAGGTCCCGATGGTCGGAACGCCGTGTGACCTACTTCTACGAGCCACAATTGGCGATTACTATTACGGC
CAAGGCCATCCGATGAAACCTACCGTATCCGCATGGCCATAATCTCATCGTTCACTACGGTCTTACCGTGC
GATGGAGATCAACCGCCATACCCTGCTGGTACTGAGGATATTCGGAGGTTTCACTCCGATGACTATGTGCGAT
TTCCTCGCCTCCGTGAGCCCGAAACGCTGTCGGATCACGCTTCTCTCGCCATCTCAAGCGCTTTAATGTTGG
CGAGGACTGCCCTATTTTTGATGGCTTATTTGGCTTCTGCCAAGCCTCTGCTGGAGGCTCCATTGGTGCTGCCG

TCAAGCTCAATCGCGGCGATGCTGATATTGCTATCAATTGGGCTGGTGGACTTCATCATGCTAAGAAGTCTGA
GGCCTCCGGTTTCTGTTACGTCAATGATATTGTATTGGGTATTCTTGAGCTGCTGAAGTATCACAAGCGTGTAC
TATATATTGACATTGATGTTTCATCATGGGGATGGCGTGGAGGAGGCATTTTAACACTACTGACAGAGTAATGA
CGGTTTCTTTTCATAAATTTGGGGATTTCTTTCCAGGGACTGGGCACATTAAGGATGTTGGAGTAGGGACTGG
CCACTTATTCAAAAAGTTATGGAGGTGTATCAGCCAGATGCAGTAGTACTCCAGTGTGGAGCTGATTCAATTGT
CTGGTGATAGGTTGGGGTGCTTTACCTATC

>trans_s_2344 XM_002313752|Populus trichocarpa phenylcoumaran benzylic ether reductase 3
(PCBER3), mRNA

CCCACCGGTCAAAGCAAATATTTTGAACAAAGGCACTCCACGGTAGTCCTCCGATCACCTATTTCTCCCTCGTT
AACTCCTTACTCCGATGGCTCAGAAGGTTCTTATCATCGGTGGAAGTGGCTACATCGGAAAATTCATAGTACAA
GCTAGCGCCAAAGCTGGTCATCCTACCTATGCATTGATCCGCAGGTCTTCCCTCGAAAGCCCCGCCAAGAATC
GAATCCTCAATCATTTCAAAGCTTAGGTGTCAATTCCTCTTCGGCGATCTCTTTGACAATGAGAGTTTGGTTA
AGGCGATTAAGCAGGTTGATGTGGTGATATCAACCCTTGGTGGCCATATGGTTCCCCATCAACATAAGATCCT
ATCTGCTATCAAGCAAGCTGGCAATGTGAAGAGATTCTTTCCTTCTGAGTTCGGTAATGACGCGGATCATATC
GATGCAGTGGAGCCAGCGAAATCGATGTATTCTGCAAGGCTGAATTCGTAGGGGCTGTTGAAGCTGAGGGA
ATCCACATACATTTGTGGTATGCAATTTTTTCGATGGTTACTTTCTTAGCAACTTGTCTCAGCCGGATGCAAGC
GTCCACCTAGAGACAAAGTCGTTATCTTAGGAGATGGAAGTCCCAAAGTCATTTACAACAAGGAAGAAGAC
GTTGGAACGTACACAATCCGAGCGATAGATGATCCAAGAACCCTCAACAAAATCATGTACCTTAGGCCCCCAG
CCAACATCTACTCAACCAATGATCTCGTGTCTCTTTGGGAGAGAAAAATTGGCAAGAGTCTTAAAAGAATCTAT
GTACCAGAGGAGGAAGTATTGAAGAAAATCCGAGAGACTTCATATCCACTTAATATAGAGTTGGCACTATGTC
ACACTGCTCAAGTGAAGGGATCTCAAATAA

>trans_s_2345 NM_111432|Arabidopsis thaliana RPL18 (RIBOSOMAL PROTEIN L18); structural
constituent of ribosome (RPL18) mRNA, complete cds

ACACCGGCGGCGGCTGTTGAAACTCGGAGAGCATTTGTAATGGGGATCGATCTCGTAGCAGGAGGTAAGAG
TAAGAAGACCAGGAGGGTTGCTCCCAAATCTGATGATATCTACCTAAAGTTACTCGTCAAGCTTTACCGCTTTC
TTGTTTCGTGCAACTGGAAGCAATTTCAATGCTGTGATTCTCAAGCGCTTGTTTATGAGCAAGGTTAACAAGCCT
CCACTTTCCTCTCTCGGCTTATCCAGTTCATGAAAGGAAAGGAAAGTAAGATTGCTGTCGTTGTTGGGACTAT
TACCGATGATATTGAGTCTATGAAGTTCAGCATTGAAAGTTGCAGCTTTGAGGTTCACTGAGACAGCAAGG
GCAAGGATCGAAAAGGCTGGTGGGGAATGTTTGACATTTGACCAGCTTGCTTTGAGGGCTCCTCTGGGTCAG
AACACGGTTCTTCTTAGAGGTCCTAAGAATTCGAGAGGCAGTGAAGCATTTCCGTCCAGCACCTGGTGTGC
CACACAGCCATTCCAAGCCATATGTGAGGTGCAAGGGAAGGAAGTTTGAGAGGGCTAGAGGAAAGAGAAAC
AGCAGGGGATATAGGGTTTGATTTGATCTTTTACTTTTTTCCAAGCCTAATTCAATGCAAGTGTGTTATTTGCA
AATTCAATATCCAAATTTTGCTAGATTTTAGTTGCATGTCAGTTATTCCATTTCTTACGGTTTTTCCCATAGTATT
GTTGATTATGAATTCGATTAAACGTTATTCCGCGGGACTTCGCACAGTCTTTTTTTGCTTAGATTTGTGTGATTA
TCATTTTCTGTTCTGTTCAATTTGAGTATCTATAAACCATTTCTTTAAATCAAACAAGTAAGTTGTAAAATTGTTCT
TGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2346 NM_001062329|Oryza sativa Japonica Group Os05g0467700 (Os05g0467700)
mRNA, complete cds

ACAGTAGCTTCGCGCGCACAAATTCATCTTCTCCCTCGCATCTCTCCCTATCCATCTACTCTATTGTCTTCTCAAT
TTGGAAGTCAGTAAACTTGTGGCCCTGATTTTTCTTCTTCTATGACTTCCAATGGCGGCTAAACCAGATCTTG
GATGGCTCTACTCGATTGTGTATGCCGTCGCCCTTGAAAGGATCCACTTTTCTCGTAAAGTCGGCTTTCATAAG

GATCCGGTCCGAGAGGGGCGAAGAACAAAGCGGCAGTCTATTCCGCCTCTGAACGCGGCGTATTCCCTTTGA
AGACATAGAAGGCATAGGAGGCATAAAAATTCAATTCCTCTTACTAGTTAGTAGTTATTTGTTATTTGTTCTTAT
GATATTCTAGAATACATTTTCATATTTGATTATCTTTAATTGTTTCTGAGTTCATCCTTTGTCTTGAGATAATCCTT
TTTAGGTGGGATCCTAACACTTATTACAGCTTGGAGAAAAAATGGATTAACGAGATGCAGTGGATGTCGTAGA
GGCGCTTTACGTTGGGGTGTGGGTGAATATCCTTTCGTAAGAGTCGGCATATGGGGCGCAAAAAACAACGA
TCGACTGGTGCACAGTAGACTTTTCTTAATTGAATTGGAGATAATTATTTAGTGCATTGACAGATAGTTTGCCA
CCATACTCGTGCAATTGAGTATTGCTGAGTCCCCATCTTAAATTAACAATACCGGATTTTTTTCAGAAATCATGAT
ACATGAGAAGAATTTTAGTGTTTCATATCTTACATTAATTTCTAGCTGTACTACCTTTTTGTCTATCTGTACTTGAG
TGCTACTCAAGTGGGGTAATATTTCTAGTATTCCTTTTGGGAAATAGGTAGACTAATTTTGTCTACAGTCACTA
CAACAAATATGATTTTCATGCA

>trans_s_2347 XM_002322547|Populus trichocarpa aquaporin, MIP family, SIP subfamily, mRNA

ATTTACAAGAATTCCTCTTAATGATTCCAATGTAGTGTAACAAACATTGGGGATGTGTCAATGTCCAATCAAATT
TGATTCACGGCCACCACATTGGAATCCGACAACATCGTCAACGGGATTATTGTCGTTTCATACATTACTACGGTA
ATCTTTGTCCAATCAAATCAAAGCCACCAATATTCCTTCATTTACCCTTCTCCTCACTCTTCATCGCTTCAAATT
GATCAATCCGAGTGAAGAAACGGGTCGTAGGGAAGAACCCAGAGATTTCTTTTCAACGATGTCTTCTGG
GGCGGCTCGATTGCTTGTGTTGGATTTTGCCTCTCTTTATGTGGTTATGGTCGGGGGTTTTGGTTAAGATCT
TTGTTTTTGGGATATTGGGGTTCGGAGATGATCTGGTTAGCGAGTTGTCAACGCTTCCTTTTCGATTCTCAAC
ATGTTCTTCTTTGCGTTCCTGGTGAAAATTTCAAATGGGTCTGCTTATAATCCTCTTACCATCTTATCTGCTGCTT
TTTCTGGGGATTTTCAGTAGATTTCTTTTCTGTTGTCGGTGCCAGAATCCCTGCTCAGGTAATGGGAGCTATTACT
GCTGTTAGGCTGATTATCCATACATTTCCCGAAGCAGGACGAGGGCCTCGTTTGACCGTTGGCATCCATCACG
GCGCTTTGACGGAAGGATTGTTAACATTTGCCATTGTATCTATCTCACTTGGACTTTCAAGGAAAATAGTTGGA
AATTTCTTCATGAAGACTTGATCTCAAGTTTATCCAAGTTAACTCTTCATATCCTCGGTTCCGACTTAACTGGT
GGCTGTATGAACCCCGCATCTGTAATGGGATGGGCATATGCTCGTGGGGAACATATAACAACAGAACATATTC
TTGTATACTGGATCGCTCCGATTTC

>trans_s_2348 NM_202010|Arabidopsis thaliana FUS5 (FUSCA 5); MAP kinase kinase (FUS5) mRNA, complete cds

TTGCGAGTAAAGACATCCACGAGAGGGAGAGGGAAAGCGGGAGCCAGCGAGCTAAGTACCAAAATAACGTA
ACAACTTTTGGGAGTGTGCGCGCAAACTCACTGCTCCGAAGAACCCTAAGCCAACCCATTCAAATCAAATTT
CTCAAGTTTCTTCCCAGATTTCTTCTGTTTATACTCATCTCCATGATCGAATTTCTTCTCATTTCTCCTTGATT
CAATCTCCCTTCTCGTTTCTATCTGTTTACCATTGCTTTTGTGCGTTTTTCTTTCCTCAAAAATGGATATTGAG
CAGAAGCAAACCGAGTTCATCGATCACTTTGTAAAACAAGCTTCCTCTCTGAAAGGCTCTGCCCTTGGGTCCGT
TGTTACTGACGCCACTTCTACCCCTTCCCTCTTCGCCTTCTCTGAAATTCTTGCCGTTCCAGCGTTGTCGAGCTA
GAAGGAACTGAGCATTCTATATATCTTGACGTGCTGCGCTTATTTGCATATGGAACATGGAGTGATTACAAGA
GTAATTCAGCCGCTTCCCGAATTGAGCTCTGATCAAGCCCTCAAATAAGCAACTTACTGTCCTTACATTG
GCTGAGACAAACAAGGTGTTGGCCTATGACCAACTAATGCAGGAATTAGATGTTACAAATGTACGAGAACTG
GAGGATTTTCTTATTAATGAATGCATGTATGCGGGTATAGTCAGAGGGAAGTTGGATCAATTGCGAAGGTGCT
TTGAGGTCCAATTTGCTGCCGGGAGAGATTTGAGACCGGGGCAACTTGGAACATGATACGAACACTATCAA
ATTGTTGACTACATCAGACAATTTATTGGTCTCCATTCAAGAGAAAGATAAATGGGCCGATAATATGAGTGA
ATTGGACAAGAACACCGAAAGGGATGTG

>trans_s_2349 AF116752|Glycine max seed maturation protein PM23 (PM23) mRNA, partial cds

TAGAAGAAGTAGTCAACACAACCCAAGGTGAAGAAGAGGGAGACAAGAGAAGTGTTGAGGTTGTGGCTCT
ATTTGCCTATGGCAGCCTTCACCTCTTCTCTCTCGCTCCCTCTCCGTTTCAATCCCTTATCCCCTCCTCTCCCCGC
CATTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCCCTCCACCAATTTACCTCCCGATTCTCTGCCCTAACCATCTCTTCCCTCCTCC
TTGCACTCCGCTCCGACAATTTGATCATGCCAAAAGCTCCCCTTTTTCATCTAAGAAATCAGTTCTTTTCATCTT
TGATACAAGAGATAGAGCCGTTAGATGTAAGCTTAATTCAAAAAGATGTTCCACCTACTACTGTGGACGCTAT
GAAAAGGACTATCTCAGGCATGCTGGGCTTACTTCCATCCGACCAATTTCAAGTTTTAGTTGAGGCTTTATGGG
AACCAGTATCTAAGTTATTAGTTTTCTTCAATAATGACGGGGTACACATTGCGTAATGCTGAATACAGACTCTGC
CTTGAAAGAAATCTTGACTTTGATGATGGAAATAATGACAAACAAACGAATGATAATAGTCGGATTGATTAC
ATGAAATGTTGCTTGATGGTGCAAATATAGGTAAAATTTTAGATGAAAACGAGTCTTCTTCCAAATGCGAGGA
ATTGTTGGACAGTTCATCCGACAACATCAATATCCAAGGCATCGGTGAAATTTCTCCTGAAGTTCAACAGCATA
TCCGTCAATTTACAGTTTCAATTATCTTCAATTA AAAAGGAACTCCATGAGGTAAAGAGGAAAAGTGCAGCTCTT
CAGATGCAACAGTTTGTGGCGAGGAGAAAAACGATCTGTTGGACTATCTGAGATCATTACAGCCAGAAAAG
GTGGCTGAGTTGTCTGAACCTACA

>trans_s_2350 XM_002319807|Populus trichocarpa type II peroxiredoxin (PtrcPrxIIb), mRNA

CACACAATTCAGACCCCTAACCCCTTCTTAGTTTTCTCACCTCTATCCATCGAAATCCACGTGAAATGGCTCC
GATTGCTGTTGGAGATACATTGCCTGACGGCATGGTGGCTTACTTCGATGAAGAGGATCAGCTTCAACAATCC
TCTATACACTCTCTTGCCGCCGGCAAAAAGGTGCTTCTCTTTGGAGTACCCGGCGCTTTTACTCCCACTTGCACT
TTGAAGCATGTACCGGGGTTTATTGAGAATGGTGACGTGCTTAAGGCCAAGGGCATTGATGATATTCTACTAA
TTAGCGTCAATGACCCCTTTGTGATGAAGGCATGGGCCAAGACTTACCCTGAGAACAAAGCATGTCAAGTTCCT
TGCAGACGGCTCTGCAGCATATACACACGCTCTTGGCCTGGAGCTCGATCTTTCAGAAAAGGGACTCGGCATT
CGATCCAAACGTTTCTCTCTCTTAGTTGATGACCTCAAGGTCAAAGCGGCAAATGTCGAGTCCAGTGGAGAAT
TTACAGTCTCCGGAGCTGAGGACATCCTCAAGGCTCTTTGATTGACTCCAATCTTTCATTGTATGTTTGGCCAT
CTATATATTTTCTAGCTGATGAACCATTGTGATAACGAGCAAAGCTTATGTCGATCTTCTATCGAACTGTGGTTT
TGTGAGGTTAATTAGATGTTTAGCGCTCCTTTCAGACGAATAATGAATACTTTTTTATGCACTTCTGGCTAGG
TTCTTTTAATTGCTCTAAGATTCTGTGATGGTAGAGGATGTGTGTGTGGTGAATTTGGGTATATGTCACGGAT
GATGTCGTCTGTTACCAGGAAAATGTGTTGATAAAGCTCAACATTTTGATGGTGATGACTTGGA AAAAAAAGC
ACACTATTTTCTTTTAGTTATTAATC

>trans_s_2351 NM_001189671|Oryza sativa Japonica Group Os11g0549900 (Os11g0549900)
mRNA, partial cds

GTTTCATTTTTGTTTTGCGTCTCATTGTGGAAAAATTAAGATGAACTATTTCTCCATTGAATTCCGCTATCTA
ATTAATCTATGGCTTCTCTTCAAATTCTCAAATCAACTCTCTCTTCTTCCATCTCTCACCCGAATTTTGGCTCT
CAATCAACCCGCTTCTTCTGACTTTGATTCCCTACTCCTTCATGGACGTCGGAGGAGTTTTCGCTGTTGCCTGC
GTTTGTAGAAGGTTCAAGTTCCGCTGCGCTGCTAAAGATGCTGATAAGGAAAGCAATGGAGAAGAACCTCCA
GAATCATTATTATGAAGGAATTGAAGAAGAGAGGCATAACTCCCACTTCTTGTCTGAGGATACTAACAACA
GTGACTTTGGACTTGGTGGCGAGATGACTGGAGAAAACAGAGATTTCTCCCGTAGAAGTGCTGTTTCAACTGA
AGTTAACAAGAGTCTATCCAATCAAAGGGAGCGTTCATGCAATTGAACAGTGAAGGCCTTGAGGGGTTGAT
CCCTCGTGCTAACTTTTGCTAACAATTGGAGGAACGTTCTTCTTAGGATTCTGGCCGTTGATCATCATAACTG
TTTCGTTCTTTTTTGGTTTATATTTTTTTTTTCGATCCTCTTTTATTACGATGGCAAACGCCGATATCTCCTCCA
CCGTATGTTGACCCATATGCTCTTTTAGAGGACGAGAGAATTTCAAAATAGCTCCTCCTGTAAATTGACTGCT
GCACAATCCTAATTGGTTGGTTTTCTGCTACTCTGTTTTCTTTCCCAATATTTATTTCTATGATATGTAAATGAT
TATTAGCTAGAATTTTGTGGTCTTGTGCCCTATTTTATTTCTTAAAGTCTTTAGTTTTTTTTTATAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2352 X83524|N.tabacum mRNA for L-Glutamate:tRNA-Glu ligase

GATGAAGGTCCAAATGTTGGTGGGGAATACGGTCCTTACCGCCAATCAGAAAGAAATGCTCTATACAAACAG
TACGCGGAGAAGCTTTTAGAATCTGGTCAAGTATATCGCTGCTTTTGTCAAATGAGGAACTAGAAAGAATGA
AGGAGGTTGCAAAGCTGAATCAACTGCCTCCTGTATACATGGGAAAGTGGGCCAGTGCTACTAATGAGGAAG
TAAGGGAAGAACTGGAAGGGTACCCCTTACACGTACCGATTTGCGTGCCTCAAGAAGGGAGTTTGAAAA
TCAATGATCTCATAAGGAGGGAAGTTAGTTGGAACCTGGATACACTTGGAGATTTTGTATTATGAGGAGCAA
TGGGCAACCTGTCTATAATTTTTCGCTCACTGTTGATGATGTTACCATGGCCATCTCACATGTCATAAGAGCAG
AGGAACATTTACCAAACACTCTTAGGCAGGCGCTGATATATAAGGCTCTTGGTTTCCCAATGCCTTACTTTGCA
CATGTTTCCTTAATTCTTGCACCTGATCGTAGTAACTATCGAAACGACATGGTGCGACATCAGTTGGTCAGTT
CAGGGAAATGGGATATCTACCCGAGGCTATGGTAACTACTTGGCTCTATTAGGTTGGGGGGACGGTACTGA
GAATGAGTTTTTACTCTCGAACAACTTGTGGAAAAGTTTTCAATTAGCCGTGTAAACAAAAGTGGTGCTGTTTT
TGATTCTACTAAGTTAAGGTGGATGAATGGTCAGCATTTGAGAGCCCTTCCATCTGAAGAATTGACCAAGCTT
ATTGGTGAGCGCTGGAAGAGCACGGGTATCCTGACAGAATCGGAAGGACCATTTTGTGAGGAATCAGTTCAG
CTGCTCAAAGATGCAATTGACTTTGGTACTGATGCTG

>trans_s_2353 Z46944|C.sinensis mRNA for non-photosynthetic ferredoxin

AATATTCGCATCATTAGCAACTTGGGTCTCCCTTTGATTTCTATCCTCGCTTCTCCGCTGCCTTTCTTTTCT
GAGCAGAAATGTCAACCCTGTCAACTGCAAGCTCCCTACCCACTTCATGTACAACACGCAATCTAAAAATCAA
CTTGGTAGCACCATCATCAAGTGTCCATCGTCAATTGGATCTACGAGAAACATTTGGAAATCCTTTGGCTTGAA
TTCACGTCCCTCATTAGAGCCCGTGCAATGGCAGTTTTCAAATTAACCTGTGCAACCATGTGGGAAAGAG
CATGAGTTTGAGGCATCTGATGATACGTACATTCTTGATGCAGCTGAAGAAGCGGGAGTAGACTTACCTTATT
CTTGAGGGCAGGTGCGTGTTCTACGTGTGCTGGGAAAATAGTTTCGGGTTTCGGTCAATCAATCAGACGGGT
CGTTCCTTGACGATGATCAAATGGCAAAGGGTACTTGTTAACCTGTGTATCACTCCCAACTGCAGATTGTGTG
ATTCACACACACAAGGAAGAAGAACTGATCTGAGTACGATAGTTGAATGATACAGAGTGTTCCTGTTTCAT
GGTTTTCATTTGTAATGTCATATTATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAATCAAATGTGTGAACTTTCTCGTCA
TGCATTTTCCTTGTTATTATCATTATGCATGGGAAATTTGTATTGTTCTTTTTTTGAACTTATGGACATTCACATT
CTGAAAGGTCACTAACAATTATAAATAAAATGTCATAAACGTGATATTAGGTTAATAATAAGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2354 GQ377242|Populus trichocarpa phi class glutathione transferase GSTF2 mRNA,
complete cds

GCATAGTCCATTTGCTTCCGTTTCTTTGTTTCCATACCAACCCAACCAAATCCAATGGCTACGCCGGTGAAAG
TGTACGGACCACCGTTGTCCACCGCCGTCTCCAGAGTACTTGCTGTCTTCTCGAGAAGGACGTCCAGTTTCAG
CTCTTACCGGTGAACATGGCGAAAGGAGAACACAAGAGCCCGGAATATCTCAAGATTCAGCCATTCGGTCAA
GTCCCTGCATTCCAAGACGAAAGCATCTCCCTCTCGAATCTAGAGCAATCTGCCGCTACATTTGCGAGAAACA
CGCGGAGAAGGGGAATAAAGGACTGTACGACTGGATCAGTTAGGGAAAGCTTCGATCGAACAATGGATTG
AAGCGGAGGGGCAGAACTTCAATCCGCGAGCTCGATTCTGTTTTTCAACTGGCGTTTGCGCCGAGGATGAA
GTTGCCGCAGGATGAGAAGGCGATTAAGCAAAACGAGGAGAAGCTGTGGAAGGTGCTTGATGTGTACGAGC
AGAGACTGGGAGAGAGTCGATATTTGGCCGGAGATGAGTTCTCGTTGGCTGATCTTCTCATTTGCCTAACGG
GCATTATCTGGTGAATAATGCGGACAGGGCGGAGCTTTTACGTCGAGGAAGAACGTGGAGCGGTGGTGGA
ATGAAATATCCAGCAGGGAATCTTGAAGGAGGTGGTTGAATTGCAGAACAAGGCATCTTCTTGAGTGCATT
TTGATGGAGTAATTGTGCCATCTGAGGGTTTGAATCTTGTTGGGACAAATGACATTTGAATAAGCTTCGTTAC

GTTCTTCATGTTTCCTTCACCCAACTATTTGAATATGGTCCTGGATTAATCTTTTGAAATAAAATTGATGACCTA
AAAGTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2355 AY125568|*Arabidopsis thaliana* At1g48160/F21D18_11 mRNA, complete cds

AGAAAGAAAAATCCTTTTCCGCCTCACCCCATTTTCCTCGCTCAATTTCTCCATTGTCGTAGTTCGGTCGGAAC
AGTAAAATCAGATCTCTGTTAGCTTCTCGATTGCGCATTCCTAATCAATTGATTCTTGATTGGAATTTGGTCG
GAATATGGATGGAGAAATTCCCAACATAAAGAGATGGGTAGTGTTGTATCCCATTTATATAAATTCAAAGAAA
ACAATTGCTGAAGGAAGACGTATAGGTGTTAGCAAAGCTTGTGAGAATCCTACGTGTGCTGAGATTGGGGAT
TGCTGCAGTCATCTCAAACCTGCCCTTTGCTATTGAGATTGATAAAGCATATCCTCGTGATTCATGCAAAGAGG
GAGAGTGCGGGTTGAGCTGAAGAAGGAGGATGGAACCCTGTCCAATCCAGCTATTACTTCGAGAAAAACAACT
GATGCTTCGTGTAGCCGAACCTGTTCTAGACATCCTGGGAGGACTAAGAAGCAGGAGCCGGCATCCTCATCA
ACAGCAGGACCTTCAAAGGCAAGGGTGGAAGAAAGAAGAAATAGTTGCATTGCCATTATGAAATTTTTAGA
ATCAGATTGTTATCAACCAGGCAGGCGGTTTTCGTTTTCAGGTCTTAGTTCTTAATTATTAACAACCTTTGAGTAT
TGGTGTTCTACCCCGGCCCTCATCCAAAACGAAAACTAACACAGTGGTCTGAAAGTTTTGTGAAATGTCATC
GATACTTTTTCTTTAATGGTCGATAAAAAAAAAAAGTCAGGAAAAAGGTATTTGTGACAATTTTTTAAGTGTTA
CCAAATATCACATTTGGTGTAACATGGGTTTTGTTTGAACAATTTGTAAAATAGTGGATCAAGAAGTTTTACT
AAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2356 M32742|*C.sativus* peroxidase (put.) (CuPer2) mRNA, 3'end

CTCACAAAACGAAAGCACACGATGGCTTCCTTGTTCAAAGTTGCTTTCTTTTTGTTTCTGGGGTTGATGGTTA
GAGCTTCCCAAGCTCAGCTCTGCCCCACGTTTTACGATGAATCATGCCCCGACGTATCCAACATTGTGCGGGGT
GTGGTAAAACAAGCCTTGGCCTTTGACGAACGTGCTGGTGCCAGACTCATTGCACTTCATTTCCACGACTGCTT
TGTAATGGGTGTGATGGGTGCGTTTTACTAGAGGACCAACCTGGTGTAGTGAGTGAGCTTGGCGCCCTGG
AAACGCCAATATTACAGGGTTTAACATTGTTAATAACATCAAAGCTGCAGTTGAAAAGGCTTGTCGCCGGTGTT
GTTTCATGTGCTGACATCTTAGCCATAGCTTCCGTGGAAGCAGTTAATTTGGCAGGAGGACCGTGTTGGGAGG
TACAAC TAGGAAGAAGAGACAGTAGAAGGGCAAATTTACAAGGCGCAATAGATGGGCTTCAAAGTCCTTTCG
AAGATGTTACACAACCTTAAACGCAAGTTCGGTAGAGTAGGTCTTGATTCTACTGATCTTGTTGCCCTATCTGGT
GCACACACATTTGGGAAATCGAGATGTCGATTTTTCGACCGACGTTTGAACGTTTCAAATCCAGATAACACACT
GGACGCGAGGTTTGACACAGCAGCTCCGTGAGCTTGCAGTAGCAGCCGGGACACGTTTGTGAATCTGGATCC
CACCCTCCCAACAGTTCGACAAGAATACTACACAAACCTTCAGTCCAACATCGGCCTTCTCGGCAGTGACC
AAGTCCTTCACTCCACTCCCGGCGAGGACACCGTCGACATCGTCAACGTCTTCGCCGTCAACCAGCAACAGTTC
TTCGACAGCTTCGGCCAGTCCATGATCAACAT

>trans_s_2357 EF165714|*Jatropha curcas* betaine-aldehyde dehydrogenase mRNA, complete cds

TACACGAAAACATTGCTGATGAATTCTTGGATAAGATCGTGCAATGGTGCAAGAACATTAAGATTTTCAGATCC
TTTAGAAGAAGGTTGCAGACTTGGCCCTGTTGTTAGTGCATCTCAGTACGAGAAAGTATTGAAGTTTGTCTCA
ACTGCTGAGCAAGAAGGTGCAAAGATTCTATATGGTGGAGTTCGCCCTAAGCACCTAAAGAAGGGATACTTC
GTTGAACCAGCAATTATTACTAATGTTACAACCTCCATGCAAATATGGAAAGAAGAAGTCTTTGGACCTGTTCT
ATGTGTGAAGACTTTTAGTTCTGAAGATGAAGCTATTGAATTAGCAAACGATACAATATATGGCCTAGGTGCT
GCTGTAATATCAAATGATTTAGAAAGGTGTGATCGTGAGCCAAGGCTTTTCAGGCAGGAATTGTGTGGATTA
ATTGCTCGCAACCATGCTTCAAGCCCCATGGGGAGGCGTCAAACGGAGTGGCTTTGGTCGAGAGCTAG
GGGAATGGGGACTTGATACTTATCTGACTGTAAAGCAGGTTACTCAATACATATCCGATGAACCATGGGGATG
GTACAAATCTCTTCTAAACTGTAAAAGAAACGACTCCTCTGATTGAGAATAAGCACTTCTCTTCTACTACTTAC
GTCTACTCGGAAGAATAAAGTTGGGTGAAGAAATTCTGCATAAGTAGTTCTACCCTATGAGTTCTCTGTTTAG

TTCAGTTAGTTTGTGTTTAAGAACTCAATTCAATTTACTTAAACATTAGATACTATGATTGTGAGTCGATAGAA
AATGGAGTTGGTAGCCTGAAAAAAGGAACTATTGTATGATATAATCTGAGCTTCTATGAATTCAGGCACTTTCT
TGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2358 NM_112617|Arabidopsis thaliana meprin and TRAF homology domain-containing
protein / MATH domain-containing protein (AT3G17380) mRNA, complete cds

AAAGAAGAAGAAAAAAGAACCGAACATTAAGATTACTATGGATGATAACATGTCATACGATGAATCAATAAA
AGATGAACGACAACACGAAATTACAATTAATCGAGGAGGGTTGATCCACCACCTCATTATGCATTTCAAATT
GATTCTTACTCAGTGCTGTCAGAAATAGAGATGAAGAAATGTGAATCAGGAGACTTTGAAGTTGATGGCTACA
TGTGGAAATTAATTTTATATCCAAATGGAAATGGAGAAGTGAAGATCATATTTCTCTCTTCTTGGCTATATCA
ACTAATGATAATAATAATCTTCCTCTTGGTTGGGAAGTGAGGGTAATTTTCAGATTCTTTATATTTGATCAAATC
AGAGATAACTATTTAACAATCCAAGATGGGAAAATGAGGAAATATTCTAAAATGAAAAGTGAACATGGATTC
ACTCACTTGATTTCTCATAATGTTTTAGTAAAGCCTCCAATGGCTTCTTGTGAACAATAGTTGTACATTTGGA
GTTGAAGTTTCTATACTTAAAGCCTCAAACAAGGGAGAGAGATTAACCATTTTATAGAGAGCCTCAACAAGACA
CCTATTTTTGGACCTCATACTCATTCTGCTAAAACCAATCAATCTTATATCTCCGAACCCTTCAATGTCAAAGG
AAGAAAATGGAGAATGGAGATATACCCAAATGGTAATTCCTTGGGAAAGACTTCACATATATCTCTTTACTTG
AAGTTGGATAATTCAGAGACCATTCTTTGGGGAAGAAATCTATGCAAAATTTCTCTTGGTGTTTATAACTTT
TCAGCCAAAAAATATATTGACAAATCATATGAACATTGGTTTAAAACCCAGGCCATGGCGATGGTTTTGATG
AGTTCTTGTCTAGAAGAGAAAATAGTACT

>trans_s_2359 HM122429|Malus x domestica ALF domain class transcription factor (ALF2) mRNA,
complete cds

AATATTAGCATTTAGATCCAATGATGGAAAGATATTGAGAGATCTCAATAGCCCGACTTTACCCTTTCAACAAA
TTCAAATTTGCTGTTTCACGATCCATAGCCATATATATATATATATTCCTTTGCAAATTTGTTTGTTCGATTC
TCTCTATTGTTTAGGTAATCTGCAGTTTTTCTTTGATTTCTTTTCCAATTTTCGACTCTATTTGCTCTCCGGAA
CGAGGAGGAGGAGCTTGAAGAAATCCGCCATGGATGGAGGTGGAGCAGTGCACAATCGCTCAGTCGAAGAT
GTTTTAGTGATTTAGAGGACGGAGAAATGGCGTCATCAAAGCGCTCACCGTAGATGTTGAAGAGTTCTATC
AACAATGTGATCCTGAGAAGGAAAAATCTATGCTTGTATGGGTTTCAAATGAAGTATGGGAAGTTAATCTACC
TGCTGAAGAAGTACCTCCAGAACTTCCAGAGCCAGCACTGGGTATTAATTTTGCAAGAGATGGCATGCAAGA
AAGGGATTGGTTGGCTTTGGTTGCTGTACATAGTGATTGATGTTGCTCTGTTGCCTACTATTTTGGTGCGA
GATTTGGATTTGATAAATCTGATAGGAGGCGACTATTTAATATGATAAATGATTTGCCAACTGTATTTGAAGTG
GTCACCGGTATTGCAAAGAAACAAGTTAAGGAAAAATCATCAAGTGCTAATGGTAGCAAATCCAAGTCAAGT
CTTAAATCGAGGGAAGCTGACGCGCAAGGAATGTACGCAAGGCAGTCGCAGGCACGGGAAGAGGTAGAGA
CGTTGTATGAAGAAGATGAAGACGAGCAGCGCACCTTATGTGGGGCATGCGGTGAGAATTATGCTTCAG
ATGAATTTGGATTTGCTGTGATATTTGTGAGAA

>trans_s_2360 NM_112734|Arabidopsis thaliana aspartyl protease family protein (AT3G18490)
mRNA, complete cds

ATCCAATAATTCATTATCTTTTTATTCCAACATGAAGACTTCACTTTCCTCTGTTTTCTCTTCTAACAATCTTC
ACTTCCCTTCAATTTCTTCCATTCTCTCTCGCAAGTTAACACAATCACCTTATTCCACTTCCATCTTCGATGTCTT
GGCTCCACAAACCAAGCCCTAAATGCCCTCTCCATTAAACCTAAACATCTTCAAACCTCACTCTCACCTTCCAAA
TTCCTCTTATCTCTGCCATTGTACCCTAGATTGTCCCTTCATAACCCTTCTTACAAGGACTACGATAGTCTTGTT
AGGGCTCGACTCGCTCGTGATGCCGCTCGAGTTCAATTCCTTAACCGAAATCTTGAGCACTCTTTAAATGGGG
GTAAGGATTTTGGTGAAGTTACTAATGGGTCTCTAATTGGAGATTCAATTACTGCTCCAGTTGTTTCAGGGCAA

AGTAAAGGGAGTGGTGCGGAGTATTTAGCTCAGGTTGGCGTTGGTCAGCCTGTGAAGTTGTTTTATTTGGTGCTGATACTGGCAGTGATGTCACGTGGCTTCAATGTCAGCCTTGTGCTACTGAGAACGCTTGTTATAAACAAATTGACCCGATTTTCGACCCGAAATCATCGTCTTCTTACACTCCTTTGTCTTGCAATTCTCAACAATGTGGGTTGCTAGATAGACCTAATTGCAATTCGGGCACATGTATATACCAAGTCCACTATGGTGATGGATCATTCACAACTGGTGAACTTGCCACCGAAATACTATCGTTCGGAAATTCAAATTCTATCCCTAATCTCCAATTGGTTGTGGCCATGACAATGAAGGCTTGTTTCGCTGGAGGTGCGGGTTTAATAGGTCTCGGTGGTGGTGCCATTTCCTTTCTTCCAATAAAAGCGTCATCATTTTC

>trans_s_2361 U65511|Cucumis sativus stellacyanin mRNA, complete cds

CTTTTACTCCCTTCTCTATAAATTCCCATTTAACAACTCATACTTCCTCAAATATAATTTAATTTCCACACCTGATTCTATATTCATTATATTTTTGAGATCATATTTCTATCATCCATGGCCGGCGCCGGAGTTGCCTTTGTTTTGGTCTGATTGCGGTGGTTTTTATTCACCCTGCCACCGCTCAGACGGTTCATATCGTCGGTGACAGCACCGGTTGACTGTTCCACCGAGCCCCACTTTCTATTCCGAATGGGCTGCTGGAAAGACCTTCGCGCTTGGCGAATCTATCCAATTTAACTTTCCAACCAACGCCCACGATGTACTTGAAATGAAAACAAAGGAGTCGTTTCGATGCATGTAATTTCACTAATTCTGATAACGATATCGAGAGGACAGGTCCAGTGATAGAGAGACTCGACGAGCTCGGCATGCATTACTTGTGTTGCACCGTTGGAACACATTGTTCCAGTGGTCAAAGTTAGCCATCAATGTCGTCTCTGCCACTGCCGGTGGTCCGATGTCGCCGGGCGGCCCGATGTCACCATCTTACCATCACCTCCTTCATCGGTAATGCCACCACCGTCTCCTTCATCCTCCAACGCACTTATGGCAACCCTTCTCTCACTTTCTTCGCCCTTCTTGTTATGACCTTCTTTAGATACATATTATGGAGTTTTCTTAATTAATTACATTGTGAGAGTTTAATTTGTTGAGAGTTTGAGAGATATATTTAGTACTTTTAGTGAGATTGGATTTCATTTGTGTCTTGTCTTCCAATTTTTTAATTCTAGTTTTGTCTCCAATAAAGTACTTTTACATTTACTCCTGTATTTATATAAGTTGAATTATAATAATTTAGCTTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2362 BT015529|Arabidopsis thaliana At5g66860 mRNA sequence

ACACCACATACAGCTCCGCCTAGCTCCTCGCCATTCCGGCTGCCATTGTCGAGATTTCCGACCGATCATGGCCAAGTGGTGGCGCTCCGCCGGAACGAATCTCAGGTGGGCGGTGTTGTCAGGAACAAAATCGGAATCGTTTCCATTTTCATCATTTTCGAGCTGCTTACCATACGATTCAAGCAATTCCTAGAGAGTGCAGCGGCCGCAAAATTTTCGAGCAAAGATAGAGCTCAAGGAAGAATACCCGCCGTCGTTTTAGTCAACAACCTCCTTGAGAAAAACCCAGTCCACGGATCGCCGTGCGGAAAGCATCTGCTCACAACAGAGCGAAAGCAAATTCCTCTATTCTCAAATCCGTTAAGCTTCCTTTCTTTGTTCCACTAGGTTCCAGCTTCAGATCCGTGCTGGTTCGGATCTTCAGTACTTCTGAATCAGGATCCATCCTTCCAATTAATAATTCATAGGAACGAAGAAACCGGGAAGATCTTCAATATTGTGTTTGTATGGGCTGATGAAGGCTCGGAGTTGAAGGTAGATGTGCCAATTGTTTTAAAGGCGAAGAGGCTTGCCTGGTCTTCAGAAAGGAGGTCAACTGAACAAGATAAGAAGTCTGAAATATCTTTGCCAGCCGAACACATTCCTTCAAAGATTGAGGTGGATGTAAGCAATCTGGACATTGGGGATAGAATTTTATTCGCGATGTAGATGTCCATCCTTCTTTGAGCTACTTAGCAAGAATGAAGTCATGCCTATATGTAAAATAGTCACAACCAAGTCCAAAAACGAAAAACACAGAAGCTTCAGAAACTTCAGAACTTCAGAACTTCAGAACTTCAGAACCTTCATGACGGCAGATTTCGTTGAAAAATATTTGTGTTTAAAGCTTTTGGTCTACT

>trans_s_2363 NM_001050804|Oryza sativa Japonica Group Os01g0752800 (Os01g0752800) mRNA, complete cds

AAAGGCCAACACAACCTATAAATTCTCCTCTCGGCGGAAAGGCGGAGCAGCGTCCAACCTTCGCCTTTCACAAAAATTAATAAGAGGGGGCTTCATTCTACGTCGATTCTGCTCCTCTTCTACTTTTTCCCTTCTGCTTTTGTGCGACGATGGGAAGAGGAAAGTACAAGAGCAAGCCACCGTTCGGCGCCAATTCTCTACCCCTGAAGACATGCTTGCTGGACCTCCACACGTCCACGCACGTTTAAACAGGTAGAAGCTGAGCACAAGGAGGAGGAAGAATCTGAGGAA

>trans_s_2364 FJ212173|Cicer arietinum zinc finger protein ZF3 gene, complete cds

>trans_s_2365 NM_001065694|Oryza sativa Japonica Group Os07g0207700 (Os07g0207700)
mRNA, complete cds

>trans s 2366 DQ842236|Coffea canephora sugar transport protein (STP1) mRNA, complete cds

ATTCCTTCATTAAATTTGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTACATTAATTTGCTAACAGTTTCT
AACAATGGCTACTGATACAAAAACAACAGCTCCCTCTGTTGTTCAACAAACCCACAAAACGCTCCCTGATTTCG

ACCCTCCCAAAAAGAACAAGAGAAACAAATTCTCTCTCGCTTGCCTACTTTAGCTTCCATGACCTCTGTTCTTC
TCGGCTATGATATCGGCGTTATGAGCGGCGCTGCCATTTTCATCAAAGACGACTTCAAACCTCTCCGACACCAAA
ATCGAAATCCTCGTTGGAATCCTCAACCTCTACTCCCTCATCGGCTCCGCCGCCGCTGGCCGTAATTCTGACTG
GATCGGTCGCCGTTACACCATGGTCGTTGCTGCTGTCATCTTCTTCGCCGGCGCTCTTCTCATGGGTTTCGCTAC
TAACTATTCTTTTCTTATGTCCGGCCGTTTCGTGGCTGGTGTGCGCGTTGGTTATGCTTTAATGATTGCTCCTGT
TTATACGGCGGAGGTTTCCCCTGCTTCTCCCGAGGATTTCTCACTTCCTTCCCGGAAGTATTCATCAATGCTGG
AATTTTACTCGGTTATGTCTCAAACCTACGGCTTCTCAAAGTCTCAGATCCAGTAACAAGGGGTTGGCGATACA
TGCTCGGAATCGGCGCCGTCCTTCTGTTTTCTCGCTGTTATCGTTCTAATCATGCCGGAATCCCCCGATGGC
TCGTTCTCCAAGGCCGTCTGGGCGAAGCAAAGAAAGTCCTCGACAAAACCTCTGATTCCAAGAGGAAGCAC
TAAACCGTCTTGCCGACATCAAACAAGCCCCCGAATCCAGAAGAATGCAACGACGACATAGTTTCCGTGGC
NAAAAATCACACACGG

>trans_s_2367 XM_002879837|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tRNA-binding region domain-
containing protein, mRNA

ATCCATTCTCTTACCGGACAAAATTCTTTCACTCAGAAGCCCCAAATGGTCTCCAATGGAGGTTCCGCTTTG
GGTAGGAAGCACTTAGTAGCATCAGCGCTGGCCAAACACTTCGCCTTAGATCATAATGCAAAGCATGGAAAC
ATCCATCTGCTGACAGTTTGTTGGTTGAGGAGATAGATGTTGGCGAGGCGAAAGTGCGGCAGGTTGTGAGTG
GTCTGGCAAAATACTGTAGTCCAGAGGAGTTAACTAACCGCCATGTTGTTCTTATTACTAATGTAAACCTGGA
AAGCTACGAGATGTGATGTCAGAGGGATTGGTGTTATGTGCATCTAATGAAGATCACACCGTCGTGGAACCTT
TGCTTCTCCAAAAGGAGCCAAAATTGGTGAACAAATTTCATTTTCTGGGGTTGATGGAAAACGAGAAGATGT
TCTTAACCCCAAAAAGAAGCAACTGGATAAGATAACACCGCATCTCTTACCAACGATAAGGGCGAGGCAAC
GTTCAAAGGTATTCCTTTTATGACATCTGCAGGACCGTGCACATCGTCTATCTCCAAGGGAAGTATCAAATAAT
AGAAGCATACCCCAATGATATATAATATAGTAGAAGAGAAGGGAACCCCTAACATTGAATGCTATTTGGCAAA
CCAAAGAGAGTCAGTTTTGAAGACATGAGGCATGGGGTGACCAAATTAAGAGCAGCTTCTCATTATTTTCAGG
TAATGTAATGGTTAATGGTTTTTCATTGTCTTAAATTGACATTTTATGATACCTTCCAACAACACTCACGTTCTG
TTATGATGTAAAGGCTTTAAATGTGTTGAACATTTTTTTGTTTTAAAGAAATCTCAGTCTCCCAACCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2368 NM_113355|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein / extensin
family protein (AT3G24480) mRNA, complete cds

CGTTTACTTGGGCTCTTGTCAAAAAGCTCCTTAGGAACCGTCCCTTCGAACTCGTTGAACCTCAGATCCAAAA
CTTCAGCTCCGGCAACTTAAGAACCACCCGAGGGAACTTCCCGGCGAAGCGATTATTACTCAGATCCAGCTCG
AACAACAACCTCAAGTTTTTGAAGTTGTGAGGAACAGTCCCACAGAACCGATTGGAGTTTATATGAAACAATG
CAAGATCCACAAGCAGACCAAGCTCCTCCGGCAAGTACCCGGCAATGTCGCCGTGGTTAAGGTCAATTCGGC
GACTGTACGGATCGACGAATTATCCGGCGCCGGAGCGCAGAAAACCCCTTTGTAGTGACAAACATCAGATCC
AACCCAATTCTTAGTAAGATTTAAAGGGTCAGACAGAATCGCTTGCTTCCAAGCTTGTAATGCTATGTAAGCAT
TTCTAATTCTGTCGTTTTCAAAAACAAGTTTAGGATCGACGACGACTTCTTACCACGGTCACCAAATTCATCTC
TGTAATAAGGAGTTGGCGTTGACGGATGTAATGAGCTTCAGCATCAGTCAGACCACGTCTCCATGGCTAGA
AGCTTGAAGAACTCTCAGGTACAGAAGAAGAAGAAGAAAGGCACAAAAGAAAAGTGCCAAAGAAGAAGA
AGAAATGTAAGAAAAGATGAATGTTTAAATGGGTATCGCTCTTCATCTCATATGTGAGACATCTGATTCCACA
AAATCCCACTTTCTTTTTCACCTTTCTTCTTCTTGTCTTCTCTAAAACCTGAGAGGGATTTTGGAGAATGAGG
AGATTTCTTTTTTCTTTTTTCTTTTTTGCAGGGAATGCTCAATCCTTTCTTGAGATCTGAGCTCAAAATGTGG
GTGTGGAGAGAGAGATGATATGAAGATTT

>trans_s_2369 NM_001063933|Oryza sativa Japonica Group Os06g0284200 (Os06g0284200)
mRNA, complete cds

AGATTACCTTGTCTCATTGGAAAGTGATATATTCGTTCTACTTATGATGGAAATATGGCTAAAGTTGTTGAAG
GTCATCGCCGATACCTTGGCTTTAAGACGACCATATTGTTGGACAGAAAGATACTCTTCAATTTGATCGATCAA
TACAAGAGTGAAAAGCTAAGCTGGGACGAGTTCTCTTTGGCTGTAAAAGAAGCTCACGCAGACCGGATGGGG
AAACCATCTAAACGGACGGTGATCCCCGATAAACCTAAAGAAGAGGATTATTTCTATGCCAACCTGAAGAAT
GTTTGCCACCATCCGAGGAACAAAAAGGGGCTATCTCTTCTTCAATGCTGAAGAGAAGAATTTGAGTTTTGAA
TGTTTGAACACTGACATTTAGTACATGGAGATTGAACTAATGGGAACACTCAAGATTTCCAAAGGTCCACA
GATTTGCATATACAAAAGCCGGAAGTATATATAAAGAAGAGCCAACCTCGAAAATTGTTTATTGAGGAACAAC
ATGGTTGTATATATTAGCTACCTTGGCTAGCTGTTATACAGGACGAGAGAGCAGCAGCTGCACCATCAAACA
TCTTAGGAGATGCATAATAGAGTTTGTACACAGATGGATTTTGGTATGATATGATATTGCCTCACACCCATTGT
TAGCCTCAGTCTTCATATTAGTAGCAGGGGAGCTAATAGGGAATGAAAATTGTTTATTTTACTCTTTTTCCCAA
TAAGAAAAAAAAAAGCAATATTTGTTAGGGTTCATATTTATGTATTTAGCATGTTACCTCTGATATGTTCTTTTT
TTTTCTTCTGTAATAGGCAGTCAAATTCTATGAATGATGGCAATTTATTCATTGATTTTGATATCTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2370 XM_002866510|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SAP domain-containing protein,
mRNA

AGCACAGATTTGACTGATCATCTTTCTTTCTTGTTCCTTGCAGGGGTTTCTCGCCATGGCGCCTTCCTCTTCTCT
TCCGGTCATGGCGCTTCCAAGTTCCTTGGCGACCTTCCCTCCCGTGGCTTCTTCTTCCACCGTTCCTCCTCAA
ATCCGGGAAGTATGCGGGTCTACATCTGTCTTCATGACACCGCACCCCCAGAGGATCAAGAAATCAAGACAAA
CCAGCAGAATATACTAATTAGATCTTTAATGCTTAAAAATTCAGCTCAAAGGATGGAAAAGGAGTAGCTACA
GCTGAGTCATCTCGAAAGAGGGCTGGCGAAAAAATTTAGATAGCAGAGCAAAGAAGGCCGCACAAGTATG
TTCATCCAAAGGAGCATCAAACAATGAAACACCAAGTAAGGATCTACAGAATTTGACTGTAGAGAGGCTGCG
TGCCCTTCTCAAGGCTAAAGGCCTCTCGCTCAGAGGAAAGAAGGATGAATTGATTGCCCGTTTGAGAAAGTGC
GGATGGTTAGACAACTGCTAAAGGAGTGAAACATCTGTCAGCTGCAAATCTTCATCAGTATAATTAGGCAAAC
CCAATGTGTAGTTAGGAGTAGTTGGGTGTAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGT
CTGTTCCATTGATATCTATATTCATTTTGATGATGGAACAAAGCGTTCATAGTTATAAATTATAGAGATGAAGT
AAGGTGTGATTTTCTCACTTTTTTTGTTTAAATCTTCTATTTTTCTGCAGCACTTGTCATATTTGAAATTCTCCA
ATACATTCGAGATATCTTTTAACTGAATACTACGTTTAAAGTGACGTTTAAAGTATTTTCTAAACATTCAAGC
GAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2371 EU302909|Citrus sinensis x Poncirus trifoliata pyrophosphate-dependent
phosphofructokinase alpha subunit mRNA, complete cds

GATCTTTACCTTCAAATTTGATTGCGACTATGCCTTTGTTCTTGGCCATGTTTGCTACCATATCTTAGCTGCTG
GTTTGAACGGTTATATGGCAACTTTAACTAACCTGAAAAATCCTGTGAACAAATGGCGCTGTGGTGCTGCTCC
AATTGCAGCCATGATGACTGTGAAGCGTTGGGCTCAAATCCTGGAGCATCGTCCATTGGAAAACAGCAATT
CACCCAGCAACCGTGGATTTGAAAGGGAAAGCATACGAGCTATTGAGACAAAATGCGAGTCAGTTTCTGATG
GACGATCTCTATAGAAACCCTGGACCTCTTCAGTTCGATGGTCCTGGTGCTGATGCCAAGCCCGTCTCCCTTG
CGTTGAGGACCAGGATTACATGGGCCGCATCAAGAAATTACAGGAATACCTTGATAAGGTCCGAACCATCGT
GAAACCAGGGTGTTTCGAGGAGGTTCTTAAAGCAGCATTAAGTGTCATGGCATCAGTGACCGACGTCCTTTCT
GTTATGTCTTCCAGTTCATTAGCGGAAAAGCATCACTAGAAGGATAATTAACCTCATTTTATGTTGGTGTTTA
TTTTACCAGAGCAACAATGACAGTGCTAAACCTTGCTACTTCGACTAGCGGAATTGGGTTATAGATGACCT
GATAATGACTGATGAGTTTTCAATTTGTTGCGTAACATTTTTTAATGAATAAGTACCCATCCTCTGCAGTTTTGG

GAATCTGTAAAGTACTGTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTCCACCAGTTTGGGTTTGTAATACGGAAGGAACTCTT
ATTTTGCCTCTCTCTCTGCGGCTTGCAGTGTATCTCGTATTTTTAGCATTTCATGTCGTTTTCTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2372 AF372977|Arabidopsis thaliana At2g20140/T2G17.6 mRNA, complete cds

GGCAACAAACCATTGATTTCTCAATACAATTCCACATTTCCCCTCTTTTACACCTCTTCTCACTTCTCACTCTCTT
CACCAAAAATGGGTCAAGGAACTCCCGCGGACTCAACAGGCAGGGCGGTCTTCCCGCGACCGAAAGCAA
GATGACCCCAACAAGAAGGACAAGAAATTCGAGCCCGCCGCCCTCCCTCGCGCGTCGGCCGCAAACAGCGC
AAGCAGAAGGGTCCCGATGCCGCCGCCGTCTCCCGACGGTACCCCCACACCAAGTGCAAGCTTCGTCTTC
TGAAGCTTGAGCGAGTCAAGGACTATTTGCTCATGGAGGAGGAGTTTGTTACCAATCAGGAGCGGTTGAAGC
CTCAGGAGGAGAAGAATGAAGAAGATAGATCTAAGGTCGACGACCTTCGTGGCTCGCCGATGAGTGTGGG
AATTTGGAGGAGCTGATTGATGAGAATCATGCCATTGTGTCTTCGTCTGTCGGTCCGGAGTACTATGTTGGGA
TCTTGTCGTTTGTGATAAAGACCAGCTCGAGCCTGGATGTGCCATTCTTATGCACAACAAGTCCCTTCCGTT
GTTGGGCTTCTCAAGATGAGGTCGACCCTATGGTATCTGTTATGAAGGTTGAGAAGGCTCCATTGGAATCCT
ATGCCGATATTGGTGGTTTAGATGCTCAGATCCAGGAGATTAAAGAAGCTGTAGAACTTCCACTTACTCATCCT
GAATTATATGAAGACATTGGAATTAAACCCCCAAAGGAGTTATACTATATGGGGAGCCAGGAACAGGGAAA
ACATTGCTCGAAAGGCCGTGGCAAACCTCCACTTCAGCCACTTTCTTGCGTGTAGTTGGAAGTGAATTGATCCA
GAAATACTTGGGAGATGGACCTAACGGTTGGCTT

>trans_s_2373 BT005824|Arabidopsis thaliana At1g03610/F21B7_13 gene, complete cds

ATTTACTGCTAGTTAACAGCTCAACCACCATGTTTTCTTCTCCTTCTTCTTCTCTCTGATTTCTCGTCCTG
CCGCTGAACCTTTGCCTTCTTCCCGGATTCTCCATATATTCAACCGATCACCGAAAAAAAAAATCCCTAAGC
CGGAATTTAGATCGGAGAAGACGAAAAACCGATGGCTCAAACGACGCCGTTTAGTTTCACTGACCATAAAA
CCACCTCCAATTTGGAGCGCTTTCTTCAATGCGTTACTCCTTCTGTTCTTGGCGAACTCTTCTCGGAGCTGCC
TTCATGATCTCAATAGTCAGTGGCAACAACCTGATAAAGATACTGTTCAATACTTCACACTTGGTGAGCTGTGG
GATTACTACGACGAATGGAGTGCATACGGTGCCGGTATCCCTATACAACCTGAATGATTCGGAACTGCTACGC
AGTTCTACGTGCCTTATCTGTCTGCAATTAGATCTATAACAAGCAAGCCTGTTGCCCTTCCAGAAACCGAAGA
TACGATATTGACATGGCAGAATGTGAAAGCGATTCTTGAGTGACGATAGCTGGAGTGATAACATGTCAAGA
TCCCTGAGCAACAACCTCTAGCAGAACATGGGATGCGGTTTCTGAAGATTGAGCTTCGACCAGGAGGGATCA
TGGCCTCTGAGGGAAAACTTGGTTACCTCTCTTTACAATATATGGAGATGTCTTCTCTTATTGGAGAGTGCC
TTTTATGGACAAGATAACAGAGCTAACTCAAACCTATCCTGCACTAAATACACTTAGGAGTGTGGATCTTCTC
CAGCTAGTTGGATGACCGTTTCTTGGTACCCTATTTATCATATCCCTAGTCAGAAAACGACAAAGACTTCGCGA
CGTGCTTCTTACTTATCATACAT

>trans_s_2374 NM_112675|Arabidopsis thaliana aldose 1-epimerase family protein (AT3G17940)
mRNA, complete cds

AAAGGTATTCCAATGGCGGATCAGACTCAGACTCCCGAGCTTTTCGAACTCAACAATGGGACCGTGCAGGTTT
TCATTTCCAATCTTGGTTGCACTATCACTTCTCTCTGTTCCAGATAAAGATGGAAAATTGGCTGATGTAGTCC
TTGGATTTGATTCTCTCGACCCGTAATTGAAAGGTCTTGCGCCTTATTTGGCTGCATTGTTGGTCGAGTCGCTA
ATAGAATCAAAGATGGGAAGTTCACACTCAATGGGGAACAATACTCTTGCCTGTTAATAGACCTCCAAACAG
TCTCCATGGGGGGAATGAAGGATTTGACAAGAAAGTATGGCAATTGAGTGAATACAAAAGGGGGAAAATC
CGTCCATCACCTTTAAGTATCACAGTGCCGATGGAGAGGAAGGTTACCCAGGAGCTATTTCTGTTACTGCGAC
ATACACACTCACCTCAAGCACAACAATGAGACTTGACATGGAGGCAATTCCTGAAAACAAGCCCACCATAATC
AACTTGGCTCAACACACCTACTGGAACCTGGGTGGGCATAACTCAGGGGACGTTCTCAACCATTCAATTCAAC

TTTGGGCAAACCATGTTACTCCAGTCGACGAAAACACTGTCCCAACCGGAGAAATCATGCCCGTCAAAGGCAC
CCCTTTTCGATTTCACTTCTGAAAAAAGATAGGTACCTCTATTCATGAGGTTGGCATGGGATACGACCACAAT
TATGTTCTCGACTGTGGAGACGAAAAATCAGGTCTGAAGCATGTCACCAAAGTGAAGGAACCATCAAGCGGT
CGGGTCTGAACTGTGGGCCAATACCCCTGGAGTGCAGTTTTACACAGGCAACTATGTGAATGGTATTGTTG
GCAAAGGAGGGGCTGCTTATGGAAAGCATGCA

>trans_s_2375 NM_001036437|Arabidopsis thaliana PPL2 (PsbP-like protein 2); calcium ion binding (PPL2) mRNA, complete cds

ATGACCACAAAAACCCAACCCAATTAGATATACCATTCTCGGCTTCCATTTTCCAATTTTCCATTTTATGAGAGC
TTCTCTTTATCAGATATGGCCGTTTCAACCTCTTGCCTGAGTTGGGTTCCCACTGCATCCAATTGGAAGCTG
AAGTTGCTTCCTTTCAATGAGCCTACAACAGCTACTTCTTCATTTTCTTCTCTAGTACCATCAATTGCTCAATTG
AGAGAACTTCTCGTGATGAAGGCATTTACAATAGAAGGCCGCTTTTGTGGGAGTTGGAGCTCTAGCTACAAG
TTTACTGGGTGCGAGTCCCCTCTTGTCTCAAGAAGTCCCAAAGAATTATCGAGCATTTGTAGACTATACAGATG
GGTATTCTATTACTACCCCTCTGATTGGAGGGAATTTGATTTTCGAGCCCATGATTCGGCATTCAAGGATCGA
TACCTGCAACTACAGAATGTTAGAGTGAAGTTCATACCAACAGAGAAAAAGGACATCCATGAAGAAGGGCCA
TTAGATGAGGTTGTCAACTTTTTGGTAAACATCGATATGCTGCACCAAATCAAAAGGTTACCATATATGACAT
GAAGGAGCGAACGATTGATGGGAAAAATTATTACACCTTTGAGTATAAACTTAGTTCTAGAGCATTCTCCCGC
ACCGCTTTGCAACCATAGCCATTGCAAACGGTAGGTACTACACATTGGTAGTTGGGGCAAACGACAGAAGG
TGGAGAAGGTATCGCGATATGCTTAAAGTGGTTGCTGATTCTTTCAGGGTGTGGATATCTGAGCTGTTTATG
AAGGGTGTAATCTCACCCAGTTTCTCTATTTAAATTTTCCCTCTTCATTTAATATCTATTGGAAATATTGNTAT
ATAGTTTGGTAATATATCAATGT

>trans_s_2376 DQ868985|Gossypium hirsutum phytoeyanin-like arabinogalactan-protein (PLA1) mRNA, complete cds

AGCAATAATTTTGAATTTTTCTCAAAGAAAGCATGTGTTAATTTGTAGTGAAGTTGTTGGAGTATTGAT
GTTTGTGCAAAAAGTTTGTGGAGTTGAGTTTCAAGTGGGAGGATCAAAGGTGTTTGGGGAGTTCTTCAGA
TCCTAATGCTCAAAGTCTTAATCAATGGGCTGAATCAAGAAGATTTCAAATTGGTGACTCCTTAGTGTTCAACT
ACCAAGGTGGGCAAGATTCAAGTGCTATTAGTGAACGAAGATGACTACAAAAATTGCCACACAGAATCACCCAT
AAAGCACTTTTCAGATGGCCCACTGTCATCAAGTTTGAAAAATCTGGCCCCCATTATTTTATAAGTGGCATCA
AAGACAATTGCCTCAAGAATGAGAAATTGGTGGTGGTTGTTTTGGCTGATAGGTCCAAGCAGTACTCCTCTCC
TCCCCGGCTCCAGCTACCGGTTCCCAACCGCCGAAGCTTCCGTCCAGATGAACCCAACTCCGTCCCCAATCG
CCGAGGAGCCCCCTGCTAATAATAATGGTGCAGCGTCTCGTCTATCGTCACCTTTGTTGGTTTAGCTGGAATG
CTTGCTACTTCAACAGCTCTTCTTTGTAATCGTGTACATTGCAATTTGATGGGTCCTTAGGGGGTTTTTTTATTT
ATTTATTTTATAATTGGGTTGAAATAATTTTAAACAAGGGTTGTGATGTTGTGTGGTGAATTGTTGGTGTTT
TTTTGGGAGTGAATATATAATAATTTGTGTGTCGTGCCTACTATTAGTTTTGTTGGCATATATGACAAGAAAAG
AAAAAGGTAACTAACGATCTTGGGTGGTAGGCTTAAAAAAGCCCTTGTATATGTGTTATGTACTC
GAATAAATGAATTTTCATCAAAATT

>trans_s_2377 AY062823|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g22280; MWD9.6) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAACAGAAAAACCTACCTTGGTAGGACAATTAAATTTTCATGATT
GGGGGAATTCTTCTACCCACAGCAACAATTATGAACACAGGTGAGATATATCTACACATGAAAAGGCTCGTA
ACTCGAAAGTGAACCTTACCTCAACAGTAAGTACATGACTTCTCTCTAAAGATTGAGGGGTCGATCCCCCTAT
CCCTGCCACCATAGTTGTTGTTCCAAAGAAAAATCCGTACTAAAAACAGTTAACAGACAAGCTAGCAATTTGTT

GTTGGCCATGGGCATCAGTCTCCAATACATGAAGTCGTTGAGCTCGAGAATATGTCCAGTCAGTAGAGCTG
TCCCGTTTGTAAATGTTCTGCCTCTACACTGCTGCAACTGTTGTGCGGAGGCTTCGCACAACTTCATTGAGCCTCT
GGATATTCCTTTCTTGTGATAACAATATCTTCTCCTAACTGCTTCTCCCTCGTCGATATATGCTGCTGCTGCTT
CTGGGAGTTCACCGTGGTGTCAACCTCAGGTACTAGCTGTTGCCTCCACTCGAACTGCGAAGTGATAATGAGA
ATAACGAACAAAAACACAAGTAACATGGATCTGGACATCATTACAAGAGGTTATGAGAATAGAGAAAACCTT
AAGTTCATGATCAAAAATTGGCGTAAGATAGTGAATCAGAAAGCGGTTGAGCAGGGGAAGTGAACAGTGTGG
ATTGCTTGGAACGAAGGAAGGGGAAGATGGTTAATAGGAGCTTTGATCGAAGTCTAAATCGGTTTGAGGAA
GAGGTTTGGAATATGGTAACGGCTTCTTTTGAGATTTTCAGGACTTGACCCATCGCGAACAACCTCTCGCCC
ACAAACTACAAAGATGATGCTGATTG

>trans_s_2378 AF097938|Populus tremula x Populus tremuloides cytosolic phosphoglucomutase
(pgm) mRNA, complete cds

ACTGGTTGGAAATTTTTTGGTAATTTAATGGATGCAGGAATGTGCTCAGTCTGTGGGGAAGAAAGTTTTGGAA
CTGGATCTGACCATATTCGTGAAAAAGATGGAATTTGGGCAGTTTTGGCTTGGTTATCCATTCTTGCTTATAAA
AACAAGGGAAACCTTGATGGTGGGAAGCTCGTTTCAGTCGAAGACATAGTTCGCCAACATTGGGCCACCTAT
GGTCGTCATTATTATACTAGATATGATTACGAGAATGTTGACGCTGGAGCAGCAAAGGAACTGATGGCAAATC
TGGTGAAACTGCAATCTTCACTTGACGAAGTGAATGGAATTGTCAAGGGAATCCGTTGAGATGTGGCAAAGG
TTGTCCATGGTGATGAATTTGAGTATAAAGATCCGTTGATGGTTCCATCTCCAAGCACCAGGGTATTCGATAT
TTGTTTGAGGATGGTTCACGACTGGTCTTCCGCCTATCTGGAAGTGGCTCTGAAGGTGCAACAATTCGGCTCTA
CATCGAGCAATATGAGAAAGATCCATCAAAAACCGGGAGAGATTCTCAGGAAGCCCTTGCTCCCCTGGTGGAA
AGTTGCTCTTAAGCTCTCAAAAATGCAAGAGTTCACCGGGAGATCCGCACCCACCGTCATTACATAAATGGAG
TTTATACACAACCTTGATTTTTGAAGAAATAATTGTTGCTTAGCTTGCGGTGGCGCAAGATATAATCTTAAAC
ATCACTGTAAGTGCTTCCAGAGTGTTTGTGTTTGGCGGGAAAACTTTAGCCTACATAAATTTTGGTGTTTGT
GTTAATAATCTTGATGCTTCTTTGTGAAGCTCGACTAAGTTACAGAATATAAATATATATATATATACACTTC
ATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2379 NM_001068471|Oryza sativa Japonica Group Os08g0448100 (Os08g0448100)
mRNA, complete cds

AATTAACGACCAAACCTCTACAACAACAACAACAACCAATAGCAAGAAGAAGAAAAAAGTCAAATCAGTTG
ATATCTATATCATTAATGGAGGCGATAAGCTTATTGGGTCGGCTGAGGAAGGCGGTGAAGAAGATTAAATTC
ATGATGAATTTTAGCATTCAAAGATGGCGGTTAGCGGCGATGTTAGGCCGGACTTCGTCCAGAAATCTCCGCC
TTAGCTTCAACGAACGTCCAGGACTAAAGGCAGCTTGTTCCGAAGATATTATTATGGAAGAAGAGCCGGTTTC
TTCTTCATCTCGTGGGCTTCAAAGAACCACCAGCTACGCTTCTGAAGATGACGTGGACTCCCGTGCGGAGGCT
TTCATTGCTAATTTCTATCGCCAGCTCAGAATCGAACGCCAGGTGTCATTGAGCTTCAATATTGCCGTCGAAA
TAGTTTTGATTAATCATCGATATAATCCACCTGTATATTCTCCAATTTGGTGAGGCAGATTCAATTCAATTAGT
TCAAGAAGATTTGAATTTGAAGAGATGGGGGTTACTGGAATCGATGATCATTTGATGAATATTCATAATGGCT
AAATAATTAAGCCTTGAATTTGGAGTAGTATTTGAATTTTGTGTGAAAACCTCAATTATTGTGTGCTTTGATTA
GTTCTCTCTTTGGCTCTCATCAACAAGATGTCCCACTTGCTTTCATTGGATGACAAATTGAAGGCAATAATTGG
GATACTTAGGAATTTGGTTTTGAAATTTCAAGAAATTTGTTGATTTTTTGTAGTGAATAATGGAAAATACAAA
GATTTGTTTGTCTTTATTATAATGTAATTATTTAATTGAAATTTCTCTTTTCTGTATATATTGGGTGCTTCAT
TCGAAATGTAAATTGAATATTGAT

>trans_s_2380 XM_002883224|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata leucine-rich repeat family protein,
mRNA

ATGGCCGCGTGCTTCAGTTTCCACTCTGATACCACCCACCTATTCATTTATTTCTCAACGGATCTCACCTCAAA
ATGCGCACCCACCGCCGTTCCGGTGCTTATCCATTTTACTGATTCTCGCCGTTTCTCGGCCGTTTCATGCCTGCCCA
CCCTCGGAACGGGCAGCTCTTCTGGCTTTCAGAGCTGCCCTTCATGAGCCTTATTTAGGAATCTTTAACTCTTG
GACTGGAGATGACTGCTGTAACCGATGGCACGGTATTAGCTGTGACCAGGTCACCCACCGGGTTGCTGATATT
AATCTCCGGGGAGAAGCTGAGGACCCCATTTTCGAACGGGCTCACCGTACTGGTTATATGACCGGTTATATTT
CTCCTGAGATCTGCAAGCTTACTCGTCTTTCTAGCGTTATTATCGCCGATTGGAAGGGCATCACCGGCGAGATT
CCGAGATGTATAAATCTTTGCCGTTTCTCAGGATTCTAGACCTTATTGGTAACCGTCTTTCTGGCGACCTTCCG
GCGGATATTGGTCGACTCCGTCGACTCACGGTTTTGAACGTTGCGGATAATTTGATTTCGGGTTGATTCCATC
GTCGCTTACGGCGCTTACGAATTTGATGCATCTGGACCTCCGAAACAACAAATTTCTCCGGTCGTTTACCCCGAA
ATTTCCGGAATCTGAGGATGTTGAGCAGAGCTTTACTTAGCCGAAACCAATTCTCCGGTTCACTTCCCGATTCC
ATTTCAAAGATCTACCGACTCGCAGACCTGGATCTTTCTCAAACCAACTATCCGGTGTAAATCCCGAGTTGGAT
AGGAAGAATGGCGGTCTTAGCTACATTGAATCTTGACGGCAAAAAATTCTCCGGAAGCATTCCACCGAGTATT
TTAGTTTCGGGAAATAGCGATT

>trans_s_2381 NM_001059557 | *Oryza sativa* Japonica Group Os04g0465000 (Os04g0465000)
mRNA, complete cds

TAGCCCAGCCCAGAGTGGCTCGGCCAGACCATGGCGCGCACCGTACCATTCTCTCGCGTCGTCTTCTTCTTCA
TTTCCCCCAATCCATCACAGTTTTATCCTAGGGTTTCATGGCATCTCTGTAGGTGAATTCCTACCTCTTCATT
CCACTCCATTCTTTTTCTGTTTCCTAGACACCTCGATAGATCCTTCAATTCTTCCCGAGGTTTTGTTTCTGCAGA
TGTCGAAGCCCCGAGTCACCATCACTCTCGGCCGCTCTGGTCAGGTGGTGAAGAGAGGAGGTTCTTCATCTTC
TGCTGCTGACTTCACACAATCGTATGTTGACTCTGGACCTGAGCCAAGAAGAAAACGATATATTGAGCGATCA
GCTGATAATGCCGAGGATTTGTTCTCATCAACGAATAAGCGGCAACGTGGAGTTGATTTTCATTGAGTTTAA
GTGGCGGCGAGAGAAAAACGCCTACAGAGTTGGTCAAAATGATCTTCGCTTGAACTTATGCGCAAAAATC
AATCTAAGAAAATTGGTATTGGGGAAGAACTCAAGGACAGATTTACACAATCGATTTTCGAAAAATTTCTCT
GCCCTCAACTAGTGGAGATGTAGTACATCGTGGGCATGAATTTAGAGGGAGCAATCTTATAAGACAAACGCA
TTCCAGAGAAAAGTGCTGATGATCTATACCTAGAACATTCACAGAGGAAAAGTGCTGTTTCCTATATTGACAGG
ATGAGAGTTAGATCCCCTGATGGGATCGTGAAAAGCTCCATGGGGCATTACCTCCTAAATACGATGCTGAGT
TTAGGAGAGGTTTCATCTATGAGAGAAGCTGATCGGTCTAGAGATGAATGGTTTCTAGAAACAGCATTGCTGA
TAGTTACAGGACTGTAGACTCTGCATCTG

>trans_s_2382 HM143941 | *Solanum lycopersicum* auxin response factor 10 (ARF10) mRNA,
complete cds

GAGCCAGGCATACTCAATTTGGAATATCTTTATCAGATTTCCATCTCAACAACAAACTGCAATTGGGGCTGGTT
CCGTCCAGTTTTTCAGCAGATTGATTTTCACTCTAGGATTTCCAATCGATCAGTTACAGACCACAGAGACAGCAG
CAGTCATAACTCGTCGGTGTGCTAAACGGGGAAAAGACTGGTCCAAAGTTGGAAAGATCCGATTCAGTGAA
GAAGCATCAATTTTTACTCTTTGGTCAACCTATACTGACTGAACAGCAAATCACTTGCAGCTCTTCCAGTGACAT
TCACTCACCTCGTACCGAGAAAAAGTTCCCTCAGATGTAAATGTGGAGAGGGTGAAGTTTCACTCCGATGGCTCA
GGATCCGCTTTCAAGCAGCAAATTTCTCCTAACAAATCACCAGGAGTAGGATTTCCATGGTACCAGGGTTATC
AAGCCACTGAACTCGGCCTAGACATCGGTCACTGCAAGGTATTTATGGAGTCAGAAGACGTAGGCCGCACAC
TCAACCTTTCCGGTCATCAGTTCATATGAAGAACTATACAGGAGGCTTGCAAATATGTTTGGAATGGAAAAACC
AGACATTCTTAGCCATGTTTTGTACCAAGATGCAACAGGTGCTGTGAAACAAGCTGGAGATAAACCATTCAGT
GATTTTCATCAAAACAGCTAGAAGATTGACAATACTAACAGACTCGGGTTCAGACAAGCTGGGAAGGACATTG
ATGGACGGAATGAGAAGTGGTGAATGGATTAGATGCTTCAAACAAGACTGGCCCTTTAAGCATATTTGCA

TAGTCTTCTGATTGTGTTGATGATAAGGGAAAAAGAAACCAAGAAATGTATCTGCTCCAGAATTCTGCTTGT
TTCCTGGGGAAAAAACTCAAATCTCAATCATTT

>trans_s_2383 NM_001062108|Oryza sativa Japonica Group Os05g0419600 (Os05g0419600)
mRNA, complete cds

AAACACAAAACAGGGAAGCGTTTAAGCCTCAAGCATCCATTAGCGTTGTTTTGTTCTCCAACAACTCAGCTTT
CCCCCTTCAACTTCTTCTCTTCCATTTTTCTCTTACTTTCTTTTCTCCATCCCACCCCTTCAATTTCTTCCCTATTC
TTCCACAATCCCATACTCCACACACATATAGATATGAGCAGAAATTTGAGTCCCAGACCGTCGGATTTCCTC
TCCTTTCCGCTTCTTTTCCCTGCTTTTCGTCTCCGCCCTTTCTGATGATTCCAGTAAAAAAGATAGTATTAAC
CTGGGAATCATCCATCCTCCAGAAGCAACACTGGTTCAATGGTTGCCATCATCCTCCTTGGAATTTTGGTAGCT
GTGTTATTATCATTTTTCTTTTCAAGTTATGGCAAAGAAGAGAAGAGAAGAGCAATATGCCCCGACTTCTTAA
ATTATTTGAAGAAGATGATGAACCTTGAGGTTGAACCTGGTCTTCGGGATTGAGAATATCTGAAATTCTAGTTC
ACTTAAGTTTGGCTCAGAAACCATTGTGTTGGAGAATTATTGCATTTCAAATGTCTAAAAGGTGGTGAGATGA
TAGAGTGAGTATGTTGTAAGGTTAGATTTTTGTTTTGTTTTTAAAAAGATTGGGGGGTGGGGCATAACCTT
GTAATTCCTATATCATAATGGATCATTTTGTAAAGGAGTGCTGAAGGATACGAGTCCAGGTTTTGTAAATTTGA
TGTCATATAGCAAGTTAATGGTGAAAGCCGAAAGGGTTTGACTAAAGCCCCAATATTTAAATATGTTTCGGAA
TTTTTTAAATGTATTTCTAATCTCAATGTGTAGCCCATCTAACAAAATTCAACCTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2384 NM_117669|Arabidopsis thaliana ATVAMP724 (ATVAMP724) mRNA, complete cds

CTCTCTATCCCTCTCTCTCTCTCGCTCTCGCGGAGTCCTCTGTTTCCATCTTCTCCGAGTCGACTCAGTCGCT
CACTCACCTCGAAGAAGATGAGTCAAGACTCGTTTATTTACAGCTTCGTGGCTAGAGGAAGTATGATCTTGGC
CGAGTTTACTGAGTTCACCGGAAATTTCCAGCGATTGCGAATCAGTGTCTTCAGAACTTCCTTCTGCTAACA
ATAAGTTCACTTACAATTGCGACCATCATACCTTTAATTTCTTAGTTGAAGATGGTTATGCTTATTGTGTTGTGG
CGAAAGAATCTCTCAGTAAGCAGATATCTATTGCCTTTTTGGAACGGATGAAAGCCGACTTTAAAAAAGATA
TGGAGGCGGTAAAGCCGATACTGCTGTTGCGAAAAGTCTCAACAAGGATTTTGGTCCAATTATGAGAGAGCA
CATGAAGTATATCATCGAGCATGCCGAAGAGATCGAAAAGTTGATAAAAGTGAAGGCTCAAGTGTGCGGAAGT
TAAAAGTATAATGTTGGAGAATCTCGACAAGGCTTTGAGAGAGGAGACAACATCAATACTCTTGCTGACAAA
ACAGAAAGTCTTCGAGATCAGGCTCAAACCTACAGAGGACAAGGAAGTAACTGCGGAGGAAAAATGTGGTAT
CAAAACATGAAGATTAAGCTAGTTGTTCTGTGATATTGTTAGCTCTTGCTCATAATCTGGGTTTCCATTTGC
CATGGATTCAACTGCAGCAATTAGTTTTTACTGTAGAGAAACAATGGCTGAAGTGAAGAGAGAGTTTTTTAG
CCTTTAGGCTTGTTCTATGGCTGAAGTGAATTTGGTCAAATATTAATATTATTTTATACATGTAAGTTTCCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2385 BT022104|Arabidopsis thaliana At3g14910 mRNA, complete cds

ACTGCGTAGTGCTTCGGAGTTTAGATTTGGGGACTACGAATAAGACGCGTGTCTCAGGCACGTTTCTTCGT
CCTAAAGTTTGTCAAATTCGATCTCTTTCAACTCAAATCTTCATGGGTTTCTTTCCATTTATCTCCATTGAAGTA
TTGGGATTCAAGTTCCTTTTTTCCACCAATGGCGAGACGAACCTTCACGACGGAGTTAGGCTGCATAGCTTGC
GAGGACCTTGCCGATTTTGGCGCTGGAAGGAAGGCTGGCTCGTCGACAACCCCAATCTACTTTGTGCCCTTG
ATTCGCACTCTCTTGCGCTGGCCAATCGATCTATCATTCTTGTTCTGGTTGGTCTGGTTCCGATGGATATCGGC
TGAAGATCAGGCCGTCTGATTTGTCTCCGATCGAAGCGGAGTACATTCCGCTTTAGAATGGTTGGTGTGGA
TGAAATTAAGGTGATTTTGGTCGGGACTTCATGTGGGTATTTTCTGATTTACTCCCTAAGTGGGGATTTGATTC
TCAAACAGATGATCCATCCTGGAAGAATTCTAAAGATTAGGGTTCATGGTTCAAAGAAGGATTTATCCCATGG
ATCTTCTTTGGAGGAGGTTTCGGTAGCTATGCCAGGTGTAATTGCCGAATTGAAGGATCTGATATTCAGAAT

ACACTGCAAAAATGGTTTCAAGAATCAAATGCACGGTTTTGGGATCCAAAATCACAACAACAAGATATGAACG
ATACTGAAAATTCGGTTGAAAAGTTAGCTTACCAAGTATGGAATGTCAGCAAATATGGTGCTTATGCAGATGC
AGCAATCACTGGTGTTATGCCTCCTCCATTGATGGAAGTCCAGTCAAGTGAACGTTATTTTTGTGCAGTCACTG
TTGGAGAGGATGCTNGTATTTTCAGCAT

>trans_s_2386 AY042844|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

TGGAGGATTTTACTCACCATTGACTTCTCCTTCCCTTGACGGTCGAGAGAGAGAGAGGGGAGAATTATTCAGCC
TACTGGTGTGCCTTCGAGTTCGTGTTTGGGGTTTTTCATTGTTACAGTCATCCCATGGCGCCTTCAGCTCCGTCA
AGCTCAACCCCTGAATTTCAAATGTCTAAAAAGCCACTTGGTTTCTATGCTAACGTACTAAAACACAAGGATGG
CCTCATTCAAGTTGTTGGCCATGACTGGTATTTTGCTTTTAAGCTGTCGATCTTTGGGTCAGAAGTACCGTATCA
ACAACCTTCAAGAAGACACTACGGCTCTCAAACAAGAACACGAAACCTTAGTCGACCGTATGAAGAACATCAA
GCGCAGCCTCCTTCATGAGGCATCCCTCGAATCCACTGGCCTCTTTCATCCAGGCTTCGCCTTCTCTTCAGCG
ATGAAGATTGATTGCTTTAAGTCTTCAATCTGTTCTATAACTTTGCCGCGTTTAGGGGTATCAGGTTGCTTGGC
TTGGCGTTTTGGTTTATTCGATTGCATAATTATGTGGTATGGTTTCAATAATGTTTCAGTCCACATGCAACAAAA
GGGAAGGTTGGCAGCTGTCTGTGGGTCAGCGTTGTTTTGTAGTGATTATTTGAACTTATTATATAGTTTTAGCG
CTTCTTGCGGAACGTTTTCAAATTCTAGATTTGACGTTTCCCTTCTTTTTATTTCAAATTCTCAGAACAGGGCCT
TTCTGTTGCTTTTGGTCGTTACTTTATGCTCAAAATGGTCTTTTTGTTGGCTAATTACTGGAAAGATTTGCCTTTT
AACATTTGATTTCTTTCTTTTCTGTGAATTTATAAATACTCCGGCGGATCAAGAACCTAACCCCTTCAAAAAAAA
GTTATTTGAGTTTGTCT

>trans_s_2387 NM_001059890|Oryza sativa Japonica Group Os04g0525000 (Os04g0525000)
mRNA, complete cds

ATTCCACGTATTGACGTCTCTCACAAGAGTGAAGAGACAAAGAAATGGCGGAAGCTGGGCGCCTTGTGACA
ACAACAAGAAATATAAACTCCATTTCAAGTTCATTCAACAAACCTGCACCTAAATCTTTAACTCAAACATTCAAA
ATCAAAGCTTCTTCAAAGAGAAATGACATCTCCTCGAGAAGAAGCAACAAAACAAGGCGTCTAATCACAA
TATCAACATCAGGAAGCAGATGGCAAGGGAAATGGACCTGTGATTACCTGCTTTCGCTGCGAGACCTCAACTT
AGAAGACTTGGTAGAAGATGAACACAAAAATGCACACGTCTTCATCAACCTCTGTATTGAGAAGCATGCAAGT
TTCGGGTTACCGTGGATGGAAGGATCAACACATCATTCCTCGAAAGTGTTGTACCTGTTCTTTGCCATACTG
TAGAGAGATCAAAGCAAATTTAATGTATTGGTTCTGTCATCAAACAGAGCCAACAGGGGAGATTACCTTCCA
GATATTGGAGGCGATGATCCTTCGGTAATCTACGTTAAACCCGGGCTTGAAGCCGATCTAGATTCATTGGTAC
GTGACACAATTAGGCTTACCACCTCAACCAAGGACACTTGCTCAGAGTCGTGTGAGAAATCTCAACCCACAGT
GCAATATATTGGGGCACAGAACGCTGCATCTATAGACAAGAGGTGGTTTCAGGCTTTTGGAGCTTAGAAAATCT
AAAGCATAGATAACAAGCAATATGTATATATATTGATGGTTGCTCATATAGGCATTCGAAAACATGACTGGCC
ATTGGTAAATTTAAATTGGTTATCAGTTTCTAAGTCAATATCAAAATGGAAAAGTGGGTTTCATCTGCAACCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2388 BT010719|Arabidopsis thaliana At5g40300 mRNA, complete cds

GTGTAAGTATTCTTCTTCTTCTTCTTAGTAGGAGAGTCCACTCAGCTTCCATGGCAGCATCAGCATCGA
ACTCTGAAGCAGAAATGAAAAGGGAAGAACTACCAAAATCCATGGAAGAACCACAAGAACAAGTACACGAA
CAACCTCACCATAACCAATCAGATGAAGGCGAAAACGACAACGAATCCCATCTCCATCTCTGCCTGCTCTTC
ACCTCCTCATTCCCTCTCCACCAGCAAAGATCCCTCGCCGCTCTCCACTCTCCCTCCATCTCCTCCGATTCTCC
GATCACACTTGTCACTCTCGTGGAAGTCTCCATTGACGACGTTTCAGGACTTACCTCCCTCCGCTAATCCTCCA
TCTCCAGACCTGTAGCAGCAACCGCGCGCAGCCATCTGAGCCGATTGTTGTGACGAAGGTGGATACTGAA
ATACAGGGGGTGCGGAAGGTGGAAGAGGTTAGCGATAGTGATGGCGATGTAGAGAGTGCCGATGGCGGTA

AGGTTGGGCGAGGACGGAAGTTGATGGAGAGTTTATCGATTAAAAATTAAGGAGGAGGAATTGAGGAAGAA
GATCTTGTTAGGGTTTAGAATTTGTGGATTTTCCTTCTGTTTGGTCTCGGTTTCGGTTATGGCTTCTGATAAGGA
TCAGGGCTGGGCTTTGGATTCACTTATCGCTATAAGGAATCCGGTAATCAATTCGTTCAATGAAACCATTTCT
TTCCTATTGAAATTTCTTATGCAATTTCTTTTAACTTCAATTGAATTGGATATTCTAAAGTTGATTCAATTTGGG
AATTTCAATAATTTGTAGGTACTGTATGGCAGTGAATGTTATTGGATTGTTTACTCTGCACTTCAATCCTAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2389 BT015741|Arabidopsis thaliana At4g11120 mRNA, complete cds

TTGAAGAAAATCACTTGAAACAATCAGAAAACCTGGAAAACCTTGGTTTGTATCATCGTTTCATTGTATGTTGAA
TTAACCACTCACCCACCATCTTCATTCATCTTCTCGTCCGGTGAAACGGTCAGAGAAACCCGTTGAATGCTAGC
ATGGCGTTTTGTAGAGCTACAAAACGTTCCATTGGATCTTTGATTTCTAACGGGCTGCTGAATAACGCTACTAG
GCATGGGTTTTCCAGTTGTGCTACCAATAAGACATTTGTTGTTGAAGGTGTTCAATATGGAAGTTCAGTTCCTT
ACGTTACACGATGCTAATTCTGCTATTTATTCGAGGCTTAGTCTGTTGAGAAGATTTAGTGTGCAAACCCCTCT
GGGTCAGACCAGATGAGTCTCATAAAGCAGCTGAGAAAAAGAACTAGTGCACCCATTAAAGATGTCAAGGCT
GCTCTCATTGATTGCAATTGGGATATTGAAGCAGCACAGACAGAATTGCGAAAAAGAGGAAAGGTGTTAGCC
CTGAAAAAGTCTGCTAGAACTGCTGCTGAAGGCCTCCTTGCAATTGGCCCAAATGAAACCAAAGCTGTTGTTA
TTGAACCTAACTGTGAGACTGACTTTGTTGCTAGGAATGAGATTTTCAATATTTGGCTCTATCTTTAGCAAAG
CAAGCATTGTTGTCCGAGAGTTTGTCCATAACGATCCTGGGACTTTCCCTGTTGGACCAGAGCAATTGGAGG
GAATTAATTAATCTAGAACACCCAAAAATTAATGGAGAAACAACAGCTCCTAATGCAGTTACTGAAGTGGC
TGCCATAATGGGGGGGAGAATATTAAGCTAAGACGAGGTTTTTTGATGTCTGCTTCTCCAAGTGGTGTTATTTCT
ACATACCTCCACACGAGTCCTCAACCAG

>trans_s_2390 GU327818|Actinidia chinensis ADP-ribosylation factor (ARF) mRNA, complete cds

ATATCTTCATTCAATTCATCCCTTCTTCTCTTATCGCTTCTGTTCTTAGACAAATTGAAAATAGCCTCCTAAGG
GAAAGGAGAAATGGGATTGACCTTCACCAAGCTCTTCAGTAGGCTTTTTGCCAAGAAGGAGATGCGGATTTT
GATGGTTGGTCTTGATGCTGCTGGAAAGACCACGATCTTGTAAGCTCAAGCTCGGAGAAATTGTCACAACT
ATTCCTACAATTGGATTTAATGTGGAGACTGTGGAATATAAGAACATCAGCTTCACCGTATGGGATGTTGGTG
GTCAGGACAAAATTCGTCCACTGTGGAGGCATTACTTCCAAAACACACAGGGTCTTATATTTGTTGTGGATAG
CAATGACAGAGATCGTGTTGTTGAAGCAAGAGATGAATTGCACAGAATGTTGAACGAGGATGAACTGAGAG
ATGCTGTGTTGCTCGTATTTGCCAACAAGCAAGACCTTCAAATGCGATGAATGCTGCTGAAATTACCGACAA
GCTTGGTCTCCATTCACTCCGTCAACGCCACTGGTACATTCAGAGCACCTGTGCAACATCTGGAGAGGGTTTAT
ATGAGGGTTTAGACTGGCTTTCCAATAATATTGCTAGCAAGGCATGAGGCAGTTGAGGTTTTTGGCTGTGCGA
CTCTGGACCGTGGGTGAAGTTTGGTGATGATAGGGGTATAGTTTCGTTTTTCTAAAGAAGTGTTGTTAGCAGC
AGAACAGTTTGCCAGACTTCTATATGTACTCTCTGTTTGTATACTTGCGGCTTGATCTAAATATCTAACCTTG
TTATAGTTTCTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2391 NM_118122|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein
(AT4G20030) mRNA, complete cds

GAATTCGAGCTGTGAGGTGCGATCGATCGATCGAACGAGCAAAGCTCCAGGACGTGGACTGAGCAGATTTG
GGCTCCAACATGTGGGCGACAACCGTCTCCTTACCTTCAATTTCAAATCTTCGGGGACCCGTTTTTCCGAATAA
TCCGCTTGTGCTTCCAATCGCCCATCTCTGAATCTTCGAGCTTCTTTCTTTGATTATCCTCTTGCCAGTAGACTC
ATGGTTAGAAATTTACCATACTCCACCAATGAGAGTCGACTGCAAGAAGAATTTCAAATTTTGGTGAGATTG
CTGAAGTGTTGTTAGCAAAAGATCGATCAACAAAAAGACCAAAAGGATATGCGTTTATTCAATACACTTGCCA

AGACGATGCGATGCTTGCACTGGAAAAATATGGATTGCAAGATATTTGATGGAAGGACGATCTATGTGGAAAT
TGCAAAACCTGGTAGCGGTTCTTTGGAGGATACCCAAGAACCTCTGGACCCCCAAAAGAGCGGCCTAACGT
GGAGCAAGAAGATATAGCAGATTGTTGGTATTGAGCTTCCTTTTTCTGAGAAGCACAATATTTATATAGGAAA
GAGATGGCTTGACAGTTAATGACAGTTATGCCCAATGAGATTTAGATCAATTTCAAAGAATCTATGAGTGTTT
GAAGTGTTGCTGAGATGGATTCAATTCATTTATTTTCATAGTTCCAAGCGTTAGATGCTGATAAGATTGTGAA
GCTCTTCTCCTGTATTTTGTAAACAGGAACAAAATATCTGTATTTGTAAATACACTGTTTAGGACACTTTACTGCA
TCTCGCAGTGCGTATTGCTTTTTGTAGCGTTGCAATTCAGATTGTGGAATATGCGGAAAAATCGTAAAGCAAAT
ACCTTTACAAGTACGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2392 NM_001050728|Oryza sativa Japonica Group Os01g0739000 (Os01g0739000)
mRNA, complete cds

AGCCACCATTGGGGTTTCTTTGAAAACCAAACCTCGAGGGAGAACTAAGGCGAGCCTCAACCTTTTCTAGGGT
TCACTGCCACTCAGCTCCACCATGCATAGAATCGCCGTTACGACTCAGGTCGCTCAAGAACCATGCGGCCA
ATTTGGGGGCTCTAGGTTTGCAACATCCAGTGAGTTGCTACGAGACCAACGTCTGGAGGGTTTTTAGCTG
GCTCACTGGAGAACGTTCAAGCTCTCTTCTCCCATGGAAATACCTCTATCTGGCATTAACTCCCACCACCATT
GCCTGATCACGTTGAACCAAGCAAAACCAAGATTACAACCTTCTCTAATGGTGTCAGAATAGCTTCAGAACTT
CTTGAACCTGCAGCCTCTATTGGGATATATCTTGATTGTGGTTCATATATGAGACCCCATTGTCTTCTGGA
GCATCACATTTGTTGGAAAGGTTGGCCTTCAAGAGTACAACGAACCGAAGCCATTTGCGCATTGTTAGGGAAG
TAGAAGCTATTGGTGGCAACACAGGTGCCTCCGCTCCCGGGAACAAATGGGATACACTTTTGATGCTCTAAA
GACATATGTTCCAGAAATGGTGGAACTGCTAGTAGATTGTGTGTCAGGAATCCTGTATTTTGGATTGGGAAATC
AATGAAGAGCTGCAAAAGCTAAAAGCAGAAATTGGGGAACCTGCAAATAACCCACAGGGCTTACTCCTCGAG
GCAGTTCATTCTGCTGGGTATTCTGGTGCACTTGCAAATCCTCTTGTGGCTCCAGAGTTTGCATTAAGCAGATT
GGATGGCACCATCTTGGAGGAATTTATTGCTGAGAACTATACTGCTCCTAGAATGGTGCTTGAGCATCAGGG
GTTGATCATGANGAGCTTTTATCCATTGC

>trans_s_2393 NM_001056989|Oryza sativa Japonica Group Os03g0439700 (Os03g0439700)
mRNA, complete cds

GCGGATTATCCGATGAAAGGCTCAAAACAATCCACGCATCGACAAATCTTTTCCAAAACCCCAAATTCTCAAC
GGGTCGCTCCCATTTTCTTCTCCGATAACCTCACTGTAATTGGAGAACACTCTCAAGTAGATGCTTCGACTTAA
TCTGTACTGCACCAAGTTGCTGCTCTGATTGCAATAATAAAAATGTAACGACCTCTTTTCGATTTCATTAAG
GCCAAATCGGAGGCTGAATCCACGGGTTTTGGCCAAAGCCTTGAAGGATGATCAGACCGACGGCGCGGTG
GCAGATTTTCTGGCCAGAAATGGGACCCTGGCTTGGAATTGAAGTCCCCTTTGAACAACGCCCGGTGAATGA
ATACTCATCTCTAAAAGACTCGACATTTTATTCATGGGGGGAGCTTGAGCAGGGCCTTTCTTATTGCGCTTG
GAGGGCTTTGGCTAGGAAGCTTCATAGTGTTAGGAATCCCTGTTGCGGCCGCAAGCTTCAATCCTTCGCGGGA
ACCTTTGCGATTTGTGCTTGCTGCTGGAATTGGAACCCTTCTCCTCGTTTCCTTGATTGTCTTGAGAATATATCT
GGGTTGGAGTTATGTGGGAGATAGGCTGTTGTGTCAGCAGTCATACCTTACGAAGAGAGTGTTGGTATGATGG
TCAAATGTGGGTCAAACACCCGAGGTTCTGGCTCGAGATAGATTGTTAGGATCTTACAAGGTAAACCAAGTG
ATCAACATGCTCAAACAACTTTAGTTGGAACAGGGATTGTTCTTGTCTCAGGTGTATTATTGTTTCATATTTGCT
ACACCAGTAGAGGATTTTCTTCAAACCACATTTTCTCAAACCAAACCTTATCATCCAGCATTAATCCAGATTTT
AACATNCACAAAAAATACAATTTA

>trans_s_2394 AJ313509|Lycopersicon esculentum mRNA for protein tyrosine phosphatase
(ptpkis1 gene)

CTCAAAGGAAAGATCGGAGTTGGGGAAGAAATATCAATCACGGGAAGGCATATCCTCTGAGATTCACAGGAA
CGTGATCGAAACTATGCTGTGTAGCTAAGTAAAGTGAACCAACGCATTGATCGAACTCCAAGGTTCAATACC
TGCTTTAGAGCTCTGCTGATTTTGCTTCATCGTGACCGGCGACCGATCGCATCGGCCATGAACTGTCTTCAA
ACCTTTCAATATCATCTTCTCTCCCTTCCGGAGCTTCAAATGCCGACAGAGAAAGCCTGAATTCCAGCTCTCTA
ACCTGGTGATAAGAACTTTACTGATCTACATCGACGTTCTCCATGAAGGCAGTGTCTGGTTCTACATCAAGT
GCCGAAACGAGTGGTACAGAAAGTGGACGATGCCGAGGAAAAGGAGGAAAAATCTGAAATATATAGCCATAA
CATGACAGAAGCTATGGGTGCTGTATTGACATATAGGCATGAGCTGGGAATGAACTACAACCTCATTTCGTCCA
GATTTAATTGTAGGATCATGCCTACAGACTCCAGAAGACGTTGACAAGCTCCGCAGCATTGGAGTAAGAACAA
TATTCTGCTTGCAGCAAGATCCAGATTTAGAGTATCCAAATTTCAATTTCTGTTAATATCTTCTTTCATAAATTTCA
TTTAATTCATGTACTCTATTTTTTTTTATTTTCTATTTTTTATTCAATAATTAATTTTGAGAAATCCAATATTTT
ACAAAAGTAGAGTTTGATCAATAAAGTGAAAAGTCTGAATTCCTTTCACTGTATCGGAAAGATATTTTGGGG
TTGACATTGGTGCTATAATAGCATATACAAAGACGTTTGATGATATTGAACATTTGCGAGCTCAGATAAGGGA
TTTTGATGCATTCGACCTACGACT

>trans_s_2395 NM_179318|Arabidopsis thaliana alanine racemase family protein (AT1G11930)
mRNA, complete cds

GGAACAATCTGGAGGAGGAGCAGGAAGATTCTTGACGGACATGGCTTCCTCAGCCGCTATAGAAGGCGCCA
CACCGGCATCCGCGGCGCTCAAGTCTGTGCTTGAGCGCGTTCAGCTAGCCGCCGAACGCTCCGGTTCGTGTACC
TCAGCAGATCCGAGTCGTAGCTGTTAGCAAAACAAAGCCGGTTCCTCGTCATTCGTCAAGTCTATGATGCTGGC
CATCGATATTTTGGCGAGAATTACGTTCAAGGAAGTCTGTTGAGAAAGTCTCCTCAGCTTCCGGAGGACATTGAGT
GGCATTTCATCGGAAATTTGCAAAGCAACAAAGTGAAACCACTGCTGTCTGGCGTTCCAAACCTCGCAGTCGT
AGAGACTGTGGATGATGAAAAGATTGCTAACCCTTTGGATCGGATGGTTGAAAGTATTGGGAGGAAGCCTCT
TAAGGTGTTTATCCAAGTGAATACAAGTGAGAAAGTCAAAATCAGGCGTTGAGCCCTCAGGGTGTGTGGA
GCTCGCTAAACATGTTAGTTTGAAGTGCCTCAATCTTCAATTTCCGGGCTAATGACAATTGGAATGTTAGATT
ATACGTCCACACCAGAAAACCTCAAGTTATTGGCCAACTGTAGAACGGAAGTTTGCAAAGCACTCGAAATATC
AGAAGAACAATGTGAGCTATCAATGGGAATGTCAGCAGACTTCGAACTAGCTGTTGAAATGGGAAGTACAAA
TGTGAGGGTTGGATCAACAATATTTGGAGCGAGGGAATACCTCAAGAAAAAGTGAATTTGAATACTAGAGA
TCTATGAGCTTCATTTTGATGGTACGGTCTTTGTCTATTATTATATACTGACCTTTGAATAAAATATCATTCAAG
AAAGCATCAAACCTAACTTCAGAATATTTTCTTTT

>trans_s_2396 AB331959|Glycine max mRNA for peroxisomal 3-hydroxyacyl-CoA dehydrogenase-
like protein, complete cds

ATAGCAAATTCCTTACTGGAGGCTAATCGGATGCGATTCGTTTCATCGCTCCCTGAATTGGGTTTTCTCCATGACG
GAAATCAAGGCCATTGGAGTCGTCGGTGGCGGTCAAATGGGCTCTGGAATTGCCAACTCGCCGCCACACAC
GGCCATCAAGTTTGGTTAATTGATTACAGACCCTGCCGCTCTTGCTAAAGCAACCGACTCCATTTCTTCTCAATC
CAACGCCTGGTCTCTAGAAACCTTCTCTCTCGAGAAATTGGTGCCATTGCTCTTCAACGTCTAAAATTTTCAACT
GATTTAAAAGAGCTTCATTACAGCAGACGTCATCATTGAAGCTATCGTGGAATCAGAAGATGTTAAAAGAAAGC
TATTTGTTGAATTAGATAAGATTGCAAAAAGGTCTTCCATTCTTGCTTCTAATACAAGTCCATCCCAATTACTC
GCTTAGCATCGGCAACCACACGTCCTGAGCAGGTCAATTGGCATGCATTTTCATGAACCCTCCACCTATAATGAA
GTTGGTTGAGATTGTGCGAGGTGCGGATACATCCGATGAAACGTTTGATGCCATAAAAAATCTTGGCTGAGAG
GCTTGGTAAAACAGTGATATGCTCTCAAGACTACTCTGGCTTCATCGTGAACAGAATCCTAATGCCAATGATTA
ACGAGGCGTTTTTCACTCTACACGGGAGTGGCAACTAAGGAAGACATTGACACAGGAATGAAGCTAGGAA
CAAATCATCCCATGGGTCCCTTGAGCTTGACAGACTTCATTGGTTTGATGTTTGTATCAATCATGAAGGTT

CTTCATTCTGGGGCTTGGTGACAATAAATATGCTCCCTGCCCTCTTCTCGTGCAGTATGCTGATGCTGGTCGTTT
GGGGAAGAAAGCGGGGAATAGGTGT

>trans_s_2397 AC002986|Arabidopsis thaliana chromosome 1 YAC YUP8H12R sequence, complete
sequence

AGGAAAAACAGTTGTGGCCGTGAGTTTCCTCCCGAACGAGACCTGCAACCCAACCCCTCGAGAAAGAAACCCA
TTGTTTCGGTTTTTCTGCAGTTGGTCTGATGCTTGGTTTCGAACGCATCTCCATAGCTCCCGGTTCAACTCTCTCT
AATCCAAAACTTTCGTCCGTAATCTCGGCCTAGATATACAATGCTTCATCGTGTGATCGCTACGAGGATTTCA
GTTGTTAACCGTCAGCCGTTGAGGGTTGGTGCATCACAAAGGATTGAAAAGGATAGAGATGAACTAGAATGA
GTAGATTGTCATTACAGGCCTCGTCCGCTTGACATTACAAGAACTCCCTATTGTCAAGTCTGTGAAAGAATTG
GAAGATGAAGAAACCCCCACTTCTACCCGAAATTCCCAACTGCTTCGTGTTGCGGCCGAGGTAGATAACGAGG
TACATCAAGTGCCTTGAAGAAATTGGCTCCTGATATACCCACTCCTCAATTTGTTGTTGTTGATACTTATGAGA
TAGACTACTCCCGCACTTTTAGTCAACCAACTTCTTACTTACGTGGCGGAGGAGGTTGGTGACATATGGAGTA
CTGCTACTGTAGATATTTTAGGCTCATTAACTTTGTACCATTACCATTCCCGCGTGAATATGTACACATACTC
TGTATTTGCAGCTCGGACAGAGCTTGGAGAGTTTGTGAGTATGACTTGGACAATGAAGACGAGGATTGGCT
TCATGACCTCAACAAAGAAAGAAAGATACTCACTCCTGAGAGGCAAATTTCAACTTGGTTTTGCTTGAGGAA
ACGTTATCTAACATCTTGTAGTTGCCACTCAAATGATCATATTACTGGCTAATGTTCTGAGTTATATTTGGACT
CTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2398 NM_001035851|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing
protein (AT1G01490) mRNA, complete cds

TTTTTCTCTCTCCTACTCTGCCAATTCTTGTGGACTCAAAATTTCTCTCTCTCTTTTTATTGGTACTACAA
AGGCTGCCAAAAATAAACCTCACACTCTCCATCTTTTCAACAAAAGCATAATTCTACTTGTGCTCTTCATCTT
CTTCATCTTCATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCATCAATAACCCATTTCTTCTTATCCTTTTTCTCTCAATCTT
CATCCATTCTCTCTCGCAATAAACTCAACAGCCCACTATGAAGAAGTTAATATTGAAATTGGATTTACA
TGATGACAAGGCCAAGCAGAAGGCTTTGAAGACAGTTTCTACACTTTCAGGGATTGATTTAATTGCAATGGAC
ATGAAAGAGAGAAAGCTAACAGTAATTGGGACAGTGGATCCGGTGAATGTAGTAAGCAAATTGAGGAAATA
TTGGCCAACACAAATAATATCAGTAGGGCCAGCAGTAGAGCCCAAGAAGGAAGAACCAAAGAAGGAGGAGC
CCAAAAAGAGGAAGCAAAGAAAGAAGATGAAGGCAAGAAGGAGGAGCCAAAGAAAGAAGGAGATGACA
AAAAAGACGAAGCAAAGAAAGACGAGTCCAAGAAGGAAGATGACAAAAAGACGAGCCGAAGAAGGAAGG
TGAAAAGAAGGAAGAAGAGAAGAAGAAAGAGCAACCGCAAGTGGCTGTGCCAGTACCAATGCCGATGCAG
ATGCCAATGCCGATGCCGATGCAAATGCAACAGTATGACCCAAGAATAATGGAGATGGTTAAGGCTTATAGA
GCATATAACCCTCATTTGACCACTTATTATCATGTTCAAAGCATGGAAGAGAACCCAAATGCTTGTGTTATTTG
TTAAGTTCTACTTTCTATCTATGGAGCCTTT

>trans_s_2399 NM_100217|Arabidopsis thaliana BSD domain-containing protein (AT1G03350)
mRNA, complete cds

AATTTTTCACAACAAATAACTGAAGTTGAGAAATGAGAATGAGATTTAGAACTTTATCGATAATGGCGTGGCC
TTCCGTTCTTCTGACAGAGACTTCTCACCTCTTGACCAAGAACAACCAACGACACTCTTCTCAATTCCAA
ACTAAACCCCCCTTCAATCTCAATCCCTTCTTTCTTCATAATCGCAATTAATTTCTCAATTCGTGTTGTTTT
TCCAAAATCCCTCAATGAATTTCTTCAGATCGGTGTTTTCCGACGATCCCGATCCTTCCACCGCGTCCAAAAC
GAACCTCAATCGCCTAAGAAATCCTCCTTCGACGAAGGAGAAGAATCATCGGATCCAGCCCTCGTTCCAATC
CAACCCCTGTTGAAGATGCCGAGCTTGGAGTTTCGGTGGGTTGATCAAGACTTTGAGTGCTAAATCGGAGTC
GGTTATCGAGACTTACCGACGCGATCTCCAGGAATTTGGTTCGGGTTTGAAGAAGGAAATTGAAGTCGCTCAT

>trans_s_2403 NM_001073799|Oryza sativa Japonica Group Os12g0614000 (Os12g0614000)
mRNA, partial cds

>trans_s_2404 BT029348|Arabidopsis thaliana At2g28660 mRNA, complete cds

>trans s 2405 AY056256|Arabidopsis thaliana At4g24290 mRNA sequence

ACGAGGTT CAGGTCTGATGTTCTCTCCTTCCAACAGATGTCAGAGCAGTTTAATCAGGAGATGACTTTGACTG
GTAAAATTCTTCAGGTCACCTTCAACACCATGTTTGAGTTTT CAGGATGTTGGCAGAAAGATGCAGCCAATACA

AAGAACCTAGCTTTTGATGGGGTCTTCATTACCCTGTACACAGTTGCTTTGGAAAAATCACAGATGGTACTTTG
CGATCACGTAAGGAAAGCTGTGCCATCATCTTGGGACCCTGCTGCACTTGCAAGGTTTATTGAAACCTTCGGC
ACCCATATCATTGTTGGCTTAAAGATGGGAGGAAAGGATGTGATATATGAAGCAACAGCATTCGTCTACTC
TCCAACCTTCTGAACCTTCTGAAGTGCAGAAGAGTCTGAAGGAGATGGCAGACAAAAGGTTTTTCAGAGACCA
TTGCACAATATGGAATGGGTTCTGAACGACTTTACAACAATGACAAGATTGAAATTAGGGAGCAACATTTGAG
GTTTGGCGATGCTAGCACTGCAATTTCTCCACTGAAGGATATCGTACCCATTTGCAAGAGAAGAGGTGGAAGT
GACAGGATTAGCCTCCCTCATCACGAGTGGTTGCAGACAGTTCAGTTGGAGCCAGACGTGATATCAATGTCCT
TTATCCCAATTACTTCTTTATTGAATGGAGTTCAGGAAGTGGATTCTTGAGCCATGCAATAAATCTTTATTTGC
GATATAAACCAACCAATTGAAGAGCTTCATCAATTTTTGGAGTTTCAGCTCCCAGGCAATGGGCGCCGATTTTC
AGTGAGCTTCCACTTGGTCCACAGCGGGAACAACAACAACTTGGCATCTCTACAGTTTAGTCTTATGGGATCAA
AGCTTTATGTGAATACTACTCCCGTTG

>trans_s_2406 EF144172|Capsicum annuum methionine-R-sulfoxide reductase B2 protein (MsrB2)
mRNA, complete cds

AAAACAAATCAAATTCCTCATCATCATCATCGACATCGTCATCTTCTCCTTTCTCTCGGGAATAATCTGCCATCTC
TCTCATGGGCTTTTCCATTCTTCGAACCTCCCTCTCTTCTCTCGAGCTTTTCTCTCCAACCCACACCCTTCC
CCGCTCTTCTCCACTCTTCGCCCCACTTCTGCTCTTCAAACCCATTTCCAATCTTCTTTCGCCATCTCCGCTACT
CCTTTCGCTGGGGCTTTTGCTCTGAGACCCCGTCGCTTCCGTGAGGGCCGTGTTTTGGCCATGTCTTCGCCTAA
TTCTGTTCAGAAATCGGAGGAGGAGTGGCGTGCCATCCTCTCGCCGGAGCAGTTTGAATCTCCGGCAGAAAA
GGAACAGAGTATCCAGGAACTGGCATTATGACAAATTCTATGGCGAGGGAGTTTATCACTGTGCCGGATGT
GAGGCACCCCTTTATAAGTCGAATACGAAATTCAACTCTGGTTGTGGTTGGCCAGCATTTTTCGACGGTATCCC
TGGAGCCATTAAAAGCACTCTGACCCTGATGGGATGAGAACTGAAATCACATGTGCTGCTTGTGGTGGTCAT
CTGGGTCATGTTTTTAAAGGAGAAGGCTTTCGAACACCCACAAATGAGCGCCATTGTGTCAATAGTATTTCACT
CAAGTTTTCTCCCTCTCAGTGATTTCTATTCTCTAATCTCTATGTTTTTTTTCTTAATCATGTGATTATATTTAG
AACCTTACTTACTCAATAAGTTGTTTACTATTTCAAAGGGAAGGAAAAGAGATTTTCTTCTTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2407 EF584898|Glycine max OAS-TL3 cysteine synthase (OAS-TL3) mRNA, complete cds

CAAGCTTGGAGAGGAGAGTTACAATGAGAGCATTTGGAGCTGAGTTGATTTAACGGATCCAATAAAGGCA
TGGGAGGTACTGTCAAAAAGGCTTATGATCTTTTGAATCCACACCTAATGGTTTCGTGCTCCAACAATTCTCA
AACCTGCCAATACTCAGGTGCATTTTGAAACCACTGGGCCTGAGATTTGGGAGGATACAAATGGACTAGTTG
ATATTTTTGTGATGGGAATAGGCAGTGGAGGGACTGTCTCTGGAGTAGGACAGTATTTGAAATCCCGAAATCC
CAATGTTAAGATTTATGGAGTGGAGCCAGCTGAAAGTAATACTGAATGGTGGTAAACCAGGTCCTCATCAT
ATTACTGGCAATGGGGTTGGATTCAAGCCAGACATATTGGATATGGATGTTATGGATAAAGTTCTTGAAGTAA
GCAGTGAAGATGCTGTAAACATGGCTAGGGAAGTACAGTAAAGGAAGGACTAATGGTGGGAATATCATCC
GGAGCCAATACCGTCGCTGCGCTCAGACTTGCGAAATTACCCGAAAACAAAGGCAAACTTATTGTGACCGTTC
ATCCAAGTTTTGGGGAGAGATATTTGTCATCTGTTCTGTTCCAAGAAGTGAAGGAAAGCTGAGAACATGCA
ACCAGTCTCAGTTGATTGAGTCAATTATGGTAGTTGACTTTGATGTTTCCATATGATGGGGAAATTACAAATTC
ATCCAAGCTTATGTTAGATGAAAGTTTGTGGTTCATCTTGATTTGCTTGAATAATTTTCCCTAGAAAGTGCATT
TGTGAGATGTCTCTGTAAGTTGTAATCTCTATAGACTAATAATGTGAAATGGCAAAGTTTAATCCCCTCACC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2408 EU714066|Thellungiella halophila ST5-18-3 mRNA, complete cds

TTTCGGATTCAATCGTAAATGCACGCGGCTTTGGTTGAATTTCTTTTCTCCTCCTTCCCCCGCGGACGGGAC
TAATAAGCACTCCCAATTGTGCACGTGCCCCGGGACGCCGCCCGCGGACATTTCTCCCTCAAACCGCTGCCT
TGCCTCCACCACCGCCGCCCATACATCCAAGTAACTTCTTCGATGATTAAACTTCTCTCTCGCCCCCTCTAAAG
TGGGGGAATCTCACCGACAATATAGTTGGAGTAATCAGCAAAAGGTTCCAGTAGGTGATTGGAACTATCTG
GGAGGGATCGGAAGTAATGGCAAGCGCACCTGCTCAAATTCCTACCAGCTTCGGGCATGAGCTCCGAGCTTG
TCTTCGTTGTCGTCTTGTCAAACTTACGATCAGTTTCGAGAATCAGGCTGTGAGAATTGCCCTTTTTCAAGAT
GGACGAAGACCATGAGCGTGTTGTAGAATGCACAACCCCTAATTTAATGGGATAATTTCAAGTCATGGATCCT
GCCAGAAGTTGGGCTGCTAGATGGCTGCGAATTGGAAGATTCGTTCCAGGTTGTTACACTCTTGAGTCTCAG
AGGCTCTCCCCGAGGATTTGCAGAATTTATGTGAAGAGGAGCGCGTGCAATATGCACCACCAAACGTGTTTA
ACCTTATGTTAATCTCTAGTTTCTTCTGATTACAAAGAATTCCACCTTGTTTCATGTACTAGTATTCTTAATTGAAC
TAGCATTTAGAGTGTGTTGTTCTTTGATTAAAATGAACAGAAGGTATAGTTGCTAACACCTTGCACTCTACATT
TTTATTTGCTTCCCTTGCGTATCTTTTTGCCTATTAATAACATAATCCCGGTTTGAAGCATTTGGAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2409 AY874441 | *Daucus carota* ADP-ribosylation factor mRNA, complete cds

ACATTCTCTCCACCTCTTCAATTTACCTTTTTTCTCTATCTAAAAAGTAAACGAATCAAACAAACTTCAAACC
GTTTTCTCTTCATCGTTTCTTACTTTAGATCGGGAGCAGTTTAAACCCACAAATCGGAAGAACATGGGTCAAG
CTTTTCGCAAACTCTTCGACTCATTTTTCGGCAACTCTGAGATGCGGGTTGTCATGCTTGGCTTGGATGCGGCT
GGCAAGACAACATATTGTACAAGCTGCACATTGGGGAAGTCTTATCTACGGTTCCTACAATTGGTTTCAATGT
GGAGAAAGTCCAGTATAAAAATGTCGTGTTCACTGTTTGGGATGTTGGAGGACAAGAGAAATTGAGGCCGTT
GTGGAGGCACTACTTCAATAACACAGATGGGCTGATTTATGTGGTGGACTCCTTGGACCGAGAGAGAATTGG
AAAGGCAAAAACAGAATTTCAGGCCATCATTAAACGATCCATTTATGCTGAACAGTGTCTATTGGTCTTTGCGA
ATAAGCAGGATATGAAAGGAGCCATGACGCCAATGGAAGTATGTCAAGGACTTGGTCTATTTGATCTCAAAC
ACAGAAAATGGCATATACAAGGAACGTGTGCTCTCAGAGGAGATGGACTTTACGAGGGTTTAGACTGGTTAG
CTGGAACCTCTCAAGGAGATGAGAGCTGCTGGATATTCTTCAGTAGGAACATCATTTTAAAGAGATACAAAAG
GTCCAGGTTGGCTGGTCGAAAGCTAACTCCAGTTCACTTGACAGATCTCAAATTGTAATCAGAATGTCTTGTTTC
CCTTATCAAACCTGAAATTATCAGGTGCCTACTCTTTGGCCTTGACCTTGCGAACGTTGACTGGCTAGAATGTA
ATATATATAAAATTCAAAGTGGAGGTCT

>trans_s_2410 XM_002869386 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* oxidoreductase/ transition metal ion binding protein, mRNA

AAGCTTGTTAAAAAGATCATTTCCAATTGTTTCGAACTCCCCTTTCTTTCCAGATTTGAAGAAGATTTGATCTTT
TAATCTTTTCATCGCTCAAGGTTTTCTTCAAGCTCCGCAGACACAGAAAATGATTGTCTTGCAATTCCACCACTCCA
TTCTCTCGCCGATTCTCTTCCAGCACAACAATTGGCGCTAAAATTTCCCTCCCAACCAACTATTTCTTGCCCCC
ATACACCCTCTCTAAACCCCTTCACCGGAATTTTCTATCCAGTGCTGCCCCTGACAAAAAATCGGAATTTACA
ACATCCCCTCCACTGAAATCGAGGTGGTGGATGAAGAACGTGAAGATTATGATGATGGGGACGACAGATTTT
GGAGTGAGAGTGGATTTAGAGGAAGAGAAGAAGAAAAGGACTATGATCGAGACCCTGAATTCGCTGAAATT
ATCGGAACTAGTCTTGATGATCCAGAGAAAGCTCGGTCCAAAATGGAAGAGAGGCTGAGGAAGAAAAGAAA
CAAGATACTCCAACCAAGACAGGATCAGCTGTTCCAGTAAAAGTTACATTCAACAAGTTCGATTTCTCAAATT
CATATATATGTTTTGAATTCTACAACACTCCACTGGCAAAAGATATCACCTAATTTGTGATACCATAAGGTCA
TGGCACATCATTGGACGTCTTGGTGGATGCAATTCCATGAATATGCAGCTGTCTCAATCTCCTTTGGATAAACG
ACCGAGTTATGATGCTATTCAGGGAGCTAATGTTACTCCAACCACATTTTATAACATTGGGGATTTTGAGGTTC
AAGACAACCTGGCTCGCATATGGGTTGATATTGGGACCAGCGAACCTTTGCTTCTAGATGTTTTGATAAATGC
ATTAACCCAAATAAGCTCTGACTATG

>trans_s_2411 AY109230|Zea mays PCO070603 mRNA sequence

CTTAGACTTCGAATCTCTCATATTCTCGAGAGCGTTGCGTCGGTGAATCCGATGGATCGAACTCGGATAGTTCT
GTTAGGGCTTCCGATCTTTTTGCTTTTCACTGATATTGTGAACCTTTTCACTCCTCCGCCTCCGAAACCTGCTGC
GAATCATCCTCCACCTCGGGTTCCTACCAGCCTAAATCTCAATCGGTCATCCAGGAACCGCTTGAATTTCTTA
CCGAGAAACGGAGCGTAATCGGAGGAATTGGCCAGGGCAGCGTTATTAATATCAACTTCTGTGTTTCTTGTTT
GTACAGAGGCACTGCAATAAACATGAAAAATATGCTGGAGTCGTCATTTCTGGAGTTGAAGTTATTTTGGCA
AATTATCCGCCACCATTCCCAAAGCGCCTTCTTAGTAAAGTAGTTCCTGGTTCATTTGGAATTATTGGAAT
AATAGTGGCAGGGGAACATATTTTCTAGGCTCGGGATGGTTCCTCCACCTTGGTACTATTCTTTCGTGCAAA
ATAGGTTTGGAAAGCATTGCAAGCACTTGGCTGTTTGGAAATTTGTCCAGTCGTTCTTACAAAGTTCCGGAGCC
TTTGAAGTATATTGCAACGGTGAAATGGTCTTTTCTAAGTTGAAGGAGCAAAGGTTTCTGGTGAGATTGAGT
TGAGAGATCTTATTGGAAGGAACTTTCCGGGTCAAGATTTGTTGACAATTCTGGAGGAGTTTGGTCATAGGT
ATGTGATTTCTTGATCATTGCCATCAAATTAGCAACTGGTGAAGTCTAGTAGTATAAATAAATCTAATTCAA
GTTTATAATAGCCAAGGGAGGAGGAGCTGTCTTTGAGAGATTTTCAATTTTAATGTGCCTATTTAGCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2412 L15303|Brassica napus chloroplast fructose-1,6-bisphosphatase (FBP) mRNA,
complete cds

AAGCCACAACCACAAACACACAAACAGACCCAGAAGAGAGAGAGAGAGTGAGGAGAGATAGAGAGAGAATGG
TTCGTACGATTTTCATCTTCGCCTCAACAACTCTCTTCTCCACCTCTCTTTTCTCCAGCTCCCGCGGTTTCCCTTCT
TCCAATTTCTCCATCCCCCGCCCTTACAGATTCTCCGGCACCCCGGCAGCCAAGTTCTCTACCAGAGCTGTGAG
CTTGGGGACGACCGAACCGGAGATACGATCGAAGAACCCGACCCGATCCGGATTGATGTGGAACCTAAC
CACGTGGCTACTGAAGCAAGAACAATCGGGACAAATCGACGCGGAACCTAACCATCGTCCTCTCCAGTATCTCT
CTGGCCTGCAACAGATTGCTTCGTTGCTGCAGAGATCCAGCATTATCAACCTCACCGGCGCCCATGGTACCAT
TAATGTTCAAGGTGAAGATCAGAAGAACTCGACGTCATTTCAAATGAGTTGTTTTGCAGCTGCCTGAGATCG
AGTGGAAGAACAGGGATCATTGCTTCAGAGGAAGAAGATGTGCCAGTAGCAGTGGAAGAAACATACTCTGG
AACTATGTGGTTGTGTTTGATCCCATGATGGCTCTGCTAATATCGACACTACATTGACCACTGGTTCCATTTT
TGGGATTTATGCACCTGATAAGCAATGTCTCTTTGACATTGATGATGACTCTGTGCTTAATCAGGAAGAACA
AATGCATCATGAATGTATGTCAACCAGGAAACAACCTATTAGCAGCTGGCTACTGTCTCTATTCAAGCTCAGTT
GTCTTCAAATCTCTATTGGAAGGAGTTTTTGCCTTCACTTTGGACCCTACCTATGGAGAATTTGTGTAACCTC
ATCCACATCAAAATCCACCTTGGGT

>trans_s_2413 AY103881|Zea mays PCO073464 mRNA sequence

CATTCGATAAAAAATTAGAAATTCGTTTCACAAATTTGTTGGATAACTTTAAGCATTTCGTTGTTGTTTCGTCGG
AAGAAATTTGGGTTTGTCCGCTGAACCTCGCTGTCGATCACCATGGCCAAAGCTGCTTCTTCTTTATTGCAAC
CCTAAGGCGCTACATTAAGAAACCTGGGAGATCACTGGGCCGTGTGCAGATCCAGAGTACAGATCAGCGGT
TCCGAGCGCCTTGGAGTACAGGGTCGTTTGGCCGCCACCATTAAAGGAGAAAGCTATTATCCCTACATCCAAT
CCCGAAACCGTATTTGACATTAAGTATTATACTCGCGACCAGCGTCGCAATCGCCCTCCAATTCGACGCACCAT
CCTCAAGAAACCCGACGTCGAGAAGATGATGAAGGAGACCAAATTCGACCCTGCTGATTTCCCTAAAGTTTAT
CTCACTGCCGCGATTGAGGAGGATATGAATGCCCGTGGAGGTGGTTATCAGAAGTAGAAAGGTTCTTTGCGC
CCTGGGCGATGTTCTTTCAGCTTGTATTCTTCAACTCTGCTTCTTTCATGTTAACCTGAGATTGGGTTATTT
AGGTATAGAAGTTTGTATGCCTAGCCTATACATTAATACAAGACATGGGATTTGGCATCAATAAAGTACATCTC
CTTCTGAACCTCTCAATTTTTTGTCTTTTGTAAATGTTATGTGCTTGTATTACAACCATTTGCAACAGTACTCTT
GCTTTTCCATTGCTCCTGAATTTTACGACATTTTGTGTCATATCGTTATTGCTATCCTCAGCTTTGTGTTATCTG

AATATTTACCGTAAAGAATCTCATCGACTGGCTTACTATCCCTCTCGGCTCGGTCGAGCATCCAGATCGAACT
TGGGTTGCGACGGTGATCGTTGAGACGGAACCATGCCGGGACCTGGGCCTCACATGCTCTACGCCATGGGCT
CCGGCATGGCTCTGACCACTCTACCGACGGCCGATTTAGTCCCCACCATACTCTCTTTTACTCCATCAACGCTT
TCTTCGGTCCCACATCGGCTCCTTCTCCGATTGGCTGTCTCCGTTCTCGGTTTCCAGCATCTTCCCTTCCCGA
CGCTATCCATCATCCCGTCTTCTACATCCTCATTCTGGGTCTTCTCTCTGCCTCTTCTACTCCTGGCTCTCCTCTT
TTCTACTCCGTAAGGGCCTCCTCGATTCCGTCTGTGGGGAAAACGGGCATTGTCACGTACACTTGGATTTTG
AGCACTGGTTGGTGGGAGAACCAGACCAATCAATCCAGATGCTGTTTTGTTGTTGGATTCTTGTGCGCTT
GCTTAATTGGTGGTTTTGTTTACATTAAACAGAGTGAAGTCTGGAAAGTCGATTTGAAACAATGGTTTCAGTCC
GTAAAGCTTATGGTAGTAGTACCTATATTCCATGTGGTGCGCAAGCCAGATATACTGGGCTAGCCCTC

GTCGACCAGCTGTCGGTGAAGAAGCTGATTTTGGAGTTCTAGTGTTTCTGGTTTTCTATTTTTTCTACCTCATT
ATCTTTGTATAAAGTCCATGCAACCAAAAGATTCTGAAACCAAACATCTCCATTGTGATAGATGAGTTATTCA
TTTATATTACAAAACGTTCAATAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2417 AY072517|Arabidopsis thaliana copia-like retroelement pol polyprotein (At2g19680;
F6F22.29) mRNA, complete cds

GCCCTTGGTGGGTATACCCTCCGTCTTCTCATCATATCGCATCTCCGTATTCTCTCATTACGAAACTCCGCTTA
GCTCGCGGCGGCACACTAAGAAGCTAGCCTTACGACGAAGAATCAACCAGCAATCACTCCGTCTCTTTTTCA
ATTTCTTTTCGTTTCTTTGATTTTGGATTTCTTAATCTGACATTCTAAGGGCATAAGACTTTAACTAATGGCAT
CCAAGTTGGCTCAGTTACAATCCAAGGCCACTCAAGCATCACAATTTGTGTTAAAAAATGGGTGTTCTTACTAC
AAGCAATTATTGGAACAAAACAAGCAATATATTAGGAGCCACCTACAGTGGAGAAATGCAACGAGCTCTCTA
AGCAATTGCTTTACACTCGCCTTGCAAGTATTCCAGGTGATATGAATCATTCCACAAGGAACCTTGATTACGTA
AAACAATTATGGAAGAACAGACAAGATCTGAAGGTGGAAGATGCAGGCATTGCTGCTCTATTTGGTCTGGAG
TGTTTTGCATGGTTTTGTGCTGGTGAAATTGTGGGAAGGGGTTTTACTTTCACTGGATACTATGTCTGAGGTTT
TTCGCTTTGGGAAAAACACGGCTCTAGTGTTCAATTCTTAAGCTCGGTTCCAGCACCGTTGCTGCTGCTGTTGT
ACCACTCGAATGACTTGAATTCTGCATGAAATTTTGTGTTTTCTGCAAATTTTTTTAGAACTTAGTATTTGG
TGAGGAAATCAGTTGATTACTTATTAATAATCCATGTTCCAAAATAACTTGGATGGATAATGATGCTGTTGCTT
TATTTAATCTCCCGCAAAGTTTCTAGAATCATTATATAACATTTCAATTGATTCATGTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2418 GQ913690|Phaseolus vulgaris nuclear factor Y subunit C mRNA, complete cds

AAACTTTTTCAATTCAAACCCCACTAACAACCAAATTAGCTAAATTATGACATGGGTCATCTTCCATTCTTCC
CCATAGATCTCTTTCTCATCGATTTTCCCTTTTCCCTTTCAGGGTATCTAAGATCTTGTTTACTTGAGTATCATTT
GTGTCTTTAAAGGCTGTCCGAGATTTATTTCAAAGTTCAACCGTGATGGATCAGCAAGGGCATGGCCAGCCA
TCCATGGGAGCGGTTGGCAGTGGAGGTCAGATAGCATATGGTAGCAACCTGTACCATCCCAACCAAATGCCT
GTAGGCCCAACTTCGGGATCTGTCGTTACATCAGTCGGAGGCATTCAGTCTACGAGTCAACCTGGTGGAGCAC
AGCTTGCTCAACATCAACTTGCTTATCAACATATCCACCAGCAGCAGCAACAACAGCTTCAACAACAGCTCCAG
ACTTTTTGGGTAAATCAATACCAAGAGATTGAGAAGGTAACAGACTTCAAGAACCATAGTCTTCCCTTAGCAA
GGATCAAGAAGATCATGAAGGCAGACGAGGATGTACGAATGATATCAGCTGAGGCACCTGTTTTATTGCTA
GGGCATGTGAAATGTTTCATCCTGGAATTGACTTTACGGTCTTGGAATCATACCGAAGAGAACAAGCGCAGGA
CACTTCAAAAGAATGATATTGCTGCAACTATCACAAGAACTGACATTTTCGACTTTCTGGTTGATATAGTGCCG
AGGGAAGATCTGAAAGATGAAGTACTCACATCGATTCCAAGAGGATCAATGACAGTTGGGGGACCTGGAGA
TACACTTCCTTACTATATGCCGTCTCAGCATGCACCTCAGGTTGGGGCACCTGGAATGATCATGGGTAAACCA
GTTATGGACCCAGCTATGTATGCTCCACA

>trans_s_2419 HM004357|Glycine max SGF14h mRNA, complete cds

AAACTCTTCCTTTCTCATCATCCTCTTCTCTATTTTCGATTCCGCCATTCCAAACTCTTTCCCGATCTTATTGTT
CCTTCTTTGTTCTCTGGCAATGGCGGTACCTCTTCCCCTCGCGAGGAGTATGTTTACATGGCTAAGCTTGCCG
AGCAAGCTGAGCGTTATGAGGAGATGGTCGAGTTTATGGAGAAGGTCTCCGCCGCTACAGATAACGAGGAA
CTCACTGTTGAGGAGCGGAACCTTCTTCTGTTGCTTATAAGAAATGTTATTGGAGCACGTAGAGCTTCCTGGA
GGATTATTTCTCTATTGAACAGAAAGAAGAGAGCCGAGGGAATGATGATCATGTCTCTGTCTCATCCGAGGTTA
TAGATCTAAGATCGAGACTGAGCTTTCTAACATTTGTGATGGCATCCTTAACTTCTTGACTCTCGTCTTATTTCT
CTCTGCTGCTTCTGGTGATTCCAAGGTCTTTATCTTAAGATGAAGGGCGATTATCATAGATACCTTGCTGAAT

TTAAGACCGGAGCTGAAAGGAAGGAAGCTGCCGAAAGTACGCTCACTGCTTATAAATCTGCTCAGGATATTG
CAAATGCTGAACTTGCTCCTACGCACCCTATACGACTTGGGCTGGCCTTGAACCTCTCAGTGTTCTATTATGAG
ATTCTGAATCCCCTGATCGTGCTTGCACTTGGCTAAACAGGCTTTTGATGAAGCAATTGCTGAGTTGGATAC
ACTGGGCGAGGAATCGTACAAAGATAGCACTTTGATCATGCAACTTCTTCGTGACAACCTCACCTATGGACTT
CAGATATGCAGGACGACGGAGATGAGATTAAAGAAGCAGCTCCCAAACGCGATGACGAATAGTAGCGAGAC
GCGACGCGAGATAGTCATACCCT

>trans_s_2420 NM_001074928|Oryza sativa Japonica Group Os11g0657300 (Os11g0657300)
mRNA, complete cds

ACAGTTAAGAAATGAAGAGAAATTAGAATAAAGAAAAGAAACGAAAAAACCTAAACCTCTCTCCCTTTCCC
TCCCTTGTGTCTTCAACCGTGCATTAGCCGCAGCCCTCTGATCGTTTCAGTGCAGTCGCCGACCAAGCCCTTCC
CCATCGTTTTCTTCTTCTTCCCTGTTTCGACCGTCAACTCACGTCGACCACGAGTCGCCCTTGTAAACATTC
GGAACCATGAGCATCCCAGTTAACCCGAAGCCATTTTTGAACAATTTGACTGGAAAGACTGTGGTTGTTAAAC
TCAAGTGGGGAATGGAGTACAAAGGATTTCTTGCTCGGTGGACTCGTACATGAACTTGACGCTTGCCAATAC
TGAGGAATATATCGACGGGCAGTTTACTGGGAGTCTTGAGAAATATTGATCAGGTGTAACAATGTTCTTTAT
CTTCGAGGAGTACCAGAGGATGAAGAGATAGAAGATGCCGAGCGTGAAGTACATGTAATCTTAGCAGCTTT
TCGTTGTCGCAGTAACAGTGAAGTCGGGAACTTTCTTCTTTGGTTGATTTCAAACCTGCAACAATGGTAGATTA
AGTATTCTTGACTCTCAAAGTAACATCTATTTTTCCGGGTAGCTTGAATTGCTTTAGTTTTCTACAAAAGAAATA
GTTGAGCTTTTAATAGTTTGTTTCATGCGGAATGCAAAGGGTTGGAATATATTGTGACCTTGACTTCTTAGAT
TGGCCAAGTTTCAAAATTTACGTGTCACGTTTCATCTAATAGCATGAATAATGTATTATCTACTTGTGTTTTTCCC
ATATGTGCCATAGATACGTTACAATACTCTTGATAGTGCAAATGGCAATCTTGATTTCTAAATCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2421 AY050468|Arabidopsis thaliana AT3g56130/F18O21_90 mRNA, complete cds

ATTCTTATTACACGGAGAACTAATGAGAATGGGCGGAGATTTTGAAGATTAACATCTTCCAACGGTGACGAA
TCACAAGCTCACAACAACCGGGGACAATATAACTCCACTTTTTTCTCCCTCGATTTTGCCTCCATATCTCCGCA
TAAACTTCCAACCTCTACTTTGCTGCTCGTTTCTAGCTCCGCCTGATCCTCAGCTGTTTTCACTTCACTTCTCGC
TTCTCCTCCATGGAGTCTCCGCATCGCTTCGATCCTTTCACTATTTTGCAGGTGGTTACGTCTGCAGTTAGTT
GATAAACCAAGTAAAATTTACCTGGCTAGTACTAATAAGTCGAGCATTCAAAGACTATCAATTTTTGGTAAGCC
CATACATAGTCCAACAAGCCAGAAGAAGATAGTGGTATCATGCATAAAGACACCTGAAGTTTCGGAAGCTGCT
AAGCCTAAGGATAGCGCCAGGGTTCAGTACAGAAGAAACCTGCATCAAATGCTACTTTTCCAATGGATTTG
AAGCATTGGTGCTGGAGGTCTGTGATGAATCAGAGATTGCTGAACTAAACTAAAGGTTGGAGAGTTTGAAA
TGCATTTGAAGCGGAATATTGGAGTAGTAAGAGCTCCTCTCTCTTCCATTTCTCCAACAGTACCTCCGCCAATTC
CATCCAACCCATGGTTGAGTCGGCTCCTACTGCACCAGCACCTCCGAAACCTTCTCCAGAGAAAGCAGCTGC
TTTTACCAATATTCCCTTACAGAAGTCGTCAAAGCTAGCAGCTTTGGAGTCATCTGGAGCAAAAGGATACGTCT
TGGTACCTTCTCCTACGGTTGGATCATTCCGTAGTGGCAGGACAATAAAAGGAAAGAAGCAACCTCCGATCTG
CAAAGAGAATGACTTGATAA

>trans_s_2422 AY103713|Zea mays PCO076540 mRNA sequence

TTTAGGGTTCTTCACTTTTTTTTCAAAAAGAGCAATAGGAACCTTAGTTTTTCCACGCGCGAGCCATTTCTCCTG
CTCATCTCCTCCTTCGATCTTCTTTATTCTTCGCCACTTCGCCGCCCTCCTCTCCCGTTCCTTACCTTCGCTCTTCT
TCGCCGCCGCTCACTCCAAGGACATTGCCAGGATCTACTTCCAGTTACGACATGAGCCGACCAATGGAGGA
AGATACTAGCAAGAATGAGGAAGAAGAGTTCAATACTGGTCCACTTTCGTGCTCATGATGAGTGTTAAAAAT
AACACTCAGGTTCTCATAAATTGCCGCAATAATAAGAAGCTTTTGGGACGTGTAAGGGCCTTCGACCGGCATT

>trans_s_2423 NM_120590|Arabidopsis thaliana UBC22 (ubiquitin-conjugating enzyme 22); ubiquitin-protein ligase (UBC22) mRNA, complete cds

>trans_s_2424 XM_002329737|Populus trichocarpa glutaredoxin S17 (PtrcGrx_S17.1), mRNA

>trans_s_2425 XM_002322156|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA908), mRNA

GAGGAGGCATTTTACACTACTGACAGAGTAATGACGGTTTCTTTTCATAAATTTGGGGATTTCTTTCCAGGGAC
TGGGCACATTAAGGATGTTGGAGTAGGGACTGGTAAAACTATGCCCTTAATGTCCCCTTAAATGATGGAATG
GACGATGACAGTTTTCTGTTGGTCTGTTTAGGCCACTTATTCAAAAAGTTATGGAGGTGTATCAGCCAGATGCAG

TAGTACTCCAGTGTGGAGCTGATTCATTGTCTGGTGATAGGTTGGGGTGCTTCAACCTATCTGTAAAGGGCCA
TGCAGATTGTCTTCGTTTCTTGAGATCATTTAATGTTCTTTAATGGTATTAGGTGGAGGAGGATACACAATCC
GCAATGTTGCTCGCTGCTGGTGTATGAGACAGCAGTTGCTGTTGGAGTTGAACCAGACAATAAATTGCCTTA
CAACGAGTATTTTGAGTATTTTGGACCTGATTACGCGCTTCACATAGAACCATCAAACATGGAGAATCTAAATT
CACCTAAAGATATGGAAAAGATAAGGAACACCCTGCTGGAGCAACTCTCTAGACTCCCACATGCACCCAGTGT
ACCTTTCCAGATGACTCCCTCGTCTGAAGTCCGGAAGAGGTTGAAGAGAACATTGAACGTAGACCCAAACGC
CGTATCTGGAATGGTGGAGGATTATGATTCTGATTCTGAAGAAAACCGAAAGCGACCAAATATTAGTGAAGGA
ACTGGTGTAATAATCTTATGAGGGACGTAGTAGATGACATGGAGGAAGATAAAAACATGGGCCATCGATGT
TGTTGACACATAAAAACCCATGGTCAGTGTAGAGTTCCTGACGACCTTGAAAGTTAACAATTCGATAAGAAC
ACCTAGGATCAAGCCATACTTTTATAGAA

>trans_s_2426 XM_002880139|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TTTAAGAATAGTATCTCAGGTAAAGATTGGTGGTGGGAAGCAAGAAAATGGAGTTGGTACCAGTGGGAATGTT
AAGGAATATGTTATGGAGTGGATTGGATCAGAGATCAAACGCGAGAGGCCGAAGAGCGAATGGATTGCTGC
ATCGTCAAGTGGCAGATCGGTTAAGAAGTCAGAGAAAAAGAACAAGAAGCGATTAGAGTGGTGGATGG
CTATGGATGATGAAAAGAGTACCAAGAATCTGAAAAGGAGAAGAGAAGGCCAGTGAGGGAGTGGTGGAA
GGAGGAGTATTGTGAAGAGCTTGCAAAGAAAAGGAAGAAAAAGAGCCCAAAAAGGGGCAGGTAGTTGT
GGTGAGAAAGAGCCTGACTTCTGGCCAGTGGATGACGAAATGTACAGAGAGAAAAAGAAGAGGAATAGAA
GCAGAAAGCCACGGAAGCCGAGGTAGCATTGATTGGTGGTTAGATGGGCTTAGCGGCGAACTCTGGAAAAC
CGTGGGACCAGCCACGATTCAACCGGAGGGGATTTTCCAAGAGTGGTGGCATTAGTAGTACGCCAAGTATG
AGAGGAACAATGTGCTATATTGCCCTGAATATGGTGGCGGTGGAGATCTTCTGAGAAATCTGATGTTTATA
GCTATGGAGTTTTATTGTTAGTTCTTATAGCTGGAAGAAGACCTCTTCAGGTGACAAATTCACCATTATCAGAA
TTCCAACGTGCCAATCTCTTATCGTGGGCTCGCCATCTCGCCAGAGCTGGAAAGCTCATTGATTTGGTTGATCA
ATCGATTAGTCTTTAGATCGAGATCAAGCCCTCTTTCATCAAGGTTGCCCTGCTTTGTCTGCAGAACTGC
CTGCTCGCAGGCCCTCCATGAAAGAGGTTGTGGGGATGC

>trans_s_2427 NM_001069631|Oryza sativa Japonica Group Os09g0394900 (Os09g0394900)
mRNA, complete cds

ATCATCGTCAATCGCCGATGATTCATTCTTCGTTTATATATAATCTATATCTATCGCTCATCTTTAACTTTCACTTC
AAATTTTCTCTCATTTTTCTTCTTCTCCAATGTCTTCCTTAACCATTCCTCCTTCTTACTTCCCCTCGAGACG
ATGCTACCCTACTTTACCGCGCCTTCAAAGGTTTTGGATGTGATACTGCTGCAGTTATCAGTGTTCTTGACATA
GAGATGCAGCACAACGTGCTCTCATTAGCAGGAATATAGAGCCATGTACTCTGAGGAACTCACCAAACGCTT
GAAATCTGAGCTCAGTGGCAAACCTTGAGGATGCAATTTTACTATGGATGTATGATCCAGCAACCAGAGATGCT
ATTCTAGTGAAGAATGCTATATATGGAGAAACCTCTACTCTTAGAGCTGCCACTGAAGTAATTTGTTCTCGCAC
ACCGTCGCAGATTAGCATTTTAAACAAATTTACTTGACCATTTTTCGTTCTCCCCTTGAACGCGATATTGAACG
CACTGCGACCGGTGATCATCAAAGTTGCTATTGGCTTACATTAGTAAACCGCGATATGAAGGCCTAGAAGTC
GACAGAGCTCTGGTAGATAAAGATGCCAAAGCTCTCTATAAAGCTGGAGAGAAAAGATTGGGAACTGATGAA
GATAAGTTCATAAAGATTTTCAGTGAAAGAAGTAGGGCACATCTTCCGCCGTTAGTCATGCTTATAAACATTC
ATATGGACACTCTTTGAAAGAGGCTATAAAGAAAGAAACATCTGGGAATTTTGAGCATGGCCTTCTCACCATT
TTGCTGTGTGCTGAGAATCCTGGGTTTTACTTTGCAAAGGTATTGCGCAGGGCAAATGAAAGAATGGGAACA
GACGACTCCACT

>trans_s_2428 XM_002876605|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata metal ion binding protein, mRNA

CAGGGCATTACGAGATGACATTCTCTACTACTGCAAGGAACTTAAAAAATTCCTGCTTACGATGATGATCAT
CGAGCTTACCTCATGGATATGGGTATTAAGGCTCTAAGGCGATATTTTTTCTCATCACTTTCCGATCCTACCTC
TACTGTACTAAGGCAGAGGAGATGAAATTCACATCCTGGATGAAGGAACGACCTGAATTGGGTCACTTATGT
AATAACCTCAGAATCCACAAGTAGTTAGAAGAACAAGAACAAGCTTGTAACATATATTGTTGATCAATATCCCT
TATCCTAAATTGTCATCTCCCTCCCCTGTATGCATGCAATACCAAGCTTTCTTGATAAGTGTGAATAGAGTTTC
CCATATGTAGATGGTGGTACTACAAGATGAAGTCAAACCTTAACACATCTATATTTGACACATTTATGATTAAC
TGTTTCATCCAAGTAGACAATAATTGTTACCAAAAAAGACCAATGGAATGGTCTTTGATTGGTAAATTCATATACT
CGAAATAATTGCTGTATTGACGGCAAAGATAAATGATAATGTCTCCCAGAACATCTAGAAGCTGCATATTTG
TCTCCATGAAGTTGGTGGCAGTCAACTGGGGGATGTGGAAGAATGTTTGTGGCAACATTGAGAGGGTCTCCT
ATTAGAGAACTCCAAGCTCGTTGTGTGTAATGATCTAAAAGTATATTTGTCTCATTTTTGTGTAATATGCACTC
TAGCTACGGTTAATCGAGGTATATGAGGTCGAAATGAAAATAAATGATGAAAGAAAATACTATAGCCATTTGT
TTGTGTTGGACAGTGACAAATCTGATGCTGCCTTTGGCAAGAATTTGTGCTGGAAATAATTTGATCAAAGGAA
TTTATAACATTGCATTA

>trans_s_2429 NM_001053168 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0304900 (Os02g0304900)
mRNA, complete cds

TGGAAAGGTGAGGCAGAGCCATCTGTGTGTTGGTTAGTTTTTTTACAGAAACGCCTTTCTTTCGTTAACTTCAA
ACTTCAAAATCTAATCTCAGGAAAAGGTCAAATCAATTCCACCCTTCCAATTCTTCTTTCTTTCTTTCTTTCT
TTCTTTCTTCTTTTTTTTTTCCAATCAATCATTCTTTCATTTTTTCATCCCCAACCATACCTATTTCGGCCCTTTTC
TTTTCTGTCTTTCTTTATCCTCCATTTCTCACCTCCCAATCCTGTAGTTTCTTGCTTTCGGCTACTCGGCAACCCC
TTCTGCTCTTCTCTTCTTCTTGTCTTATTTTTCATCCATTTTTTTCGGAGCTCTCTCTCCTGGAAAATGGATTC
CGATTTCTGGACTTCTCGTCTTGCCGCTGCTAAACGCCAGTATATGTTGCAGCATCATCACCAGCTTCCAACCT
AGATCTGTTGGGAATCGATGATTTGGAGATGGATGATGATGCCCGTCCCCATTTTCCCTGCCCTTTTGTATG
AGAATTTTGACGTTATGTCCCTTTGTTGCGATCTGGAAGACGAACACTCTTGCGAGACAAGAGTCCCGGTTTGC
CCCATATGCTCAGTTAAAGTCATGGGGGACATGTTAAGTCATATAACGTTGCACCATGGGCACCTGTACAAGC
TTCAGAGGCGTCGAGGTTGCGTAAGATTTCCATCCCCAACAGTCAAGCATTGTCCCTCTTGAGCCGGGACCTT
CGCGAGGCTCATCTGCAGGTTCTTTAGGGAGCAGTGGGTACCGTACAAGCACCCTAACGTGCCTAGTGCAA
CTCAGGATCCGTTTTTATCATCACTTATTTTAAATTTATCTGCATCTGATGTTGAAGATATCTCAAATCCATGCT

>trans_s_2430 AJ316582 | *Atropa belladonna* complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

TGAACCTGTTTAACAAGATTATGTATAATCATCAACTACTGACATTGGTAAACGACCCAAAGAAATTTGATTA
TAATTCAATTCGTGACGATCATAAGTAGAAAGTTCATATCTTCAGTCATTGATAAACAATTTGTTGGACAATA
TTCAACACAGTTACCACAAAATATACAGATCCCGAAATCAATACTGTAATTAAGCAATCGTTTCTTTGGAATATC
CGTTTCCAATTTCAATCAACAACGGGGAGATCTATAGGACATACACGAACACATACTTCACAAGCAATGCATT
TATCGAATTCAAAATGGATTCGACCACGGAAACGCTCCGATGCTATTAATGTTTCGTAAGGATATTGAATAGTT
ACAGGCAAACGATTTGCATGGGATAAAGTAATCATGAAACCCTGACCAATGTACCTTGCACTCGTACTGTTT
GTTGACCATAATTCATGAACCCAGTTACCATAGGGAACATATTATAATATCTCTAAAGAATTTATGTTTGTTC
TTTCTTGTGTTGAGCAAGTCGTGAATATAGAATATGGTATTCCTTTACAATGAAAAGAGTTGAAAAGATGTTG
TTAATAATAGATTACCGAGAGATATAGGTAAGAAATTTCCATCCAAGATTTAATAGTTGATCTATTCTTAGT
CGGGGTAAGACTTGCTCCTGGTAGCGCTCCCGTCCACCTCCACCCGCTGGGGATAGCCGTGCCGCCCTCGCA
GCCGGTGACGAACCCCGCATCCGGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGA
ATAGGATCGAAATCCTATGATGAGGCTCTTAGCATGAAATGAATTAGATTCTATTTGTCTGATTTCTTCTTAAG
AGAACCCCCCACCC

>trans_s_2431 AB002695 | *Cucurbita pepo* mRNA for aspartic endopeptidase, complete cds

ATCTGAGGCAGATCCGAAGAAGATCTGTTCTCAAATTAAGTTGTGTACTTTTGATGGAACTCAAGGAGTAAGT
ATGGGAATCGAGAGTGTTGTAGATGAAATTGCCGGTAAATCATCTGATGGTCTAAGAGATGGCATGTGCTCT
GTATGTGAGATGACAGCTGTTTGGATGCAAAATCAACTTCGTCAGAATCAAACCAAAGAACGCATTATAAACT
ATATCAACGAGCTATGTGATCGTATGCCTAGTCCAATGGGACAATCAGCTGTGGACTGTGGAAAACTTTCTTC
CATGCCTAGTGTTTCTTCACCATTTGGTGACAAAGTTTTTGACCTTGCCCCAGAAGAGTATATTCTCAAGGTGG
GTGAGGGTGTTGCAGCTCAGTGCATCAGTGGATTACAGCCTTTGATATTCCTCCTCCTCGTGGACCTCTCTGG
ATCTTGGGAGATGTCTTCATGGGCCGCTACCATACTGTCTTTGATTTTGGCAAGCTTAGAGTCGGATTTGCTGA
GGCAGCTTGAAGAAACCACTTGTTTGTGGTGACTTTGTCGATTGCCTTCAATGTTTATACACATGAGCCATCT
TTAGTTTCAATGGAACCTAACTTTACTTTATTTTCGTGGATTTATCTAAGTGTTAAATGCGGTTAGCCTCCCTGC
AAAAGGGAAACACTCGTGATTGTAAATGCTTGGCTACTGTTTCATCTTTATAGACACTGCTTGTACAGTTGCT
TTTAGTTTCTCTGCTGATTTAAATATATACACACAGGCTGTTATATATTTGGAGATGGAAATAGAGAACAAATT
AATCAAATAATATATTTAAGTTTATCTCGATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2432 XM_002873523|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata THUMP domain-containing protein,
mRNA

AAAATAGGATACAGTTTCTCTTTGGTTCGAACTTCCAAATTTGAGAGCTTGTTTGTGTTCAAGTGTTCCTCTTCA
ATGGCCGCCGACAACAAACCCTCCGCCGGTGGCAAGAAGAGGAAGCAGCGTTTTCTTCCCCACAACAAGCCA
GTAAAGAAGAAGGGTCATTACCCATTACGCCAGGGGTTCAAGGTTTCTTATCACCTGTGATGGCGGCCGAG
AGCGCCAAGCCTCCATTGAAGCAATCAACGTTATTGACTCCTTTTTCGACGAGTTAGCCCATGGAAAAGAACTGT
GGTGTGAAGCTGACAGAATTAGCTGATAAACCTTTAAACAAAAAAATTAAGTTTTAGATTCTGAGTCTTCTAG
TTCAGACGATGATGATAATGAGGAGGAGGAGGAGGAGAAGGGCGATGATGATGAAAATAAGAAGGTTCTT
GAGGAAGGGTCTAAGTCCCCCAAGGAGCAAAATGAACCTTCTAATGAAAATGAAACAACCTGACGTTGTCAAT
CCTAATCAAGAGGAGACTGTAGCTCCTGAAAATCAACAGAGGAAAAATCGAATGACAATGAAAGGGATATG
AAGTGTCTGAAAGTTCCATCGGAGGAAGTTGAGGAGCCACCAAATAAGAAACACTGCGTTGAAGCAGATGCA
TCAAAAAGCAATATAAAAGAAAAAGAGAAGTCCATTGATCAATTGATTGAGGCTGAACTTCAGGAATTGGGA
GACAAGACCAAGAGACGTTTTTTCAATCTTGATTGGGATGTAATGGTGTTGTCTTTATCCAAATGCGGAAGA
ATGATGGAGAACCTGGCCCCTAANGCTGTGTGCAGCATATGATGACATCTATTGCTTTCAACAGGAACACATA
TCANGGTTCACTTAGAATTCTGCCAAT

>trans_s_2433 AL161539|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 39

ACTTTCGCCGTCTCTAAAACCCCCAATTGGGTAGGGTTTTGTCTATATCAGGAAGCTTTTTCAAACATCCACATG
GCCATTTCTCTGTTTTGTGATCGTTGGAGGGTTATGGCTTCCATTGTTGTTGCTCTTGCTCTGCTACTCGTCTTTC
AATCTGCTAAGGCTGATGATTTCAATGACCTATTGTCTCCTCTTCTCTCCCCATTTTTGAAAATGTTTGCAAAG
AAGTGAACGTGGGAAAGGAACTTGTAACCTTCTGGAAATGGGAGCTTCTCGTTTGAATGTGATTGTGAATC
TGGATGGAAACAGACTCTTTTTGATGATGATGATGATGATAGGAATCACTTCAAATTTCTTCCCTGCATCATAC
CCAAATGTAACCTTGACTCACTCGTGCTTTCGGCACCTCCACCGGGTATACAGACCAAACCAAGAATTAACGG
AACGATACTTGATCCTTGATGTTGGGTCGACTGTGGAGGCGGTTTGTCACAACAGACGTCACCGTTGACATAC
AAATGTAATTGCTTGGAGGGTTACTATAATCTTCTCAACATCACTGCCTTTCCATGCTACAAAGATTGCTCTATA
GGAACGGATTGCAAGGAACTGGGAATTCCAGTAACAACTCACCTGCTTCTACAACCTTCTACTTCAACTACAA
ATAACAATGCTGCTAGCGGATTATTTCTCAAGCGAGGCTCCCTCTCGACGATTAGCTCGGTGGTAATGTACATC
GCTACACTGCTTCTTCTGATTAAATAGACCAACATGTGTGGTGCCAGTGTCGTTTGATTGTGTATGCCCTCTATT
TATGGCTTTGGCAATAAAATAAGTTTCCCATTTGAGTTGTGCGATGATGGGCATTGTATATATGTTACGATCTC
ACATAAAAACT

>trans_s_2434 NM_116468|Arabidopsis thaliana exocyst complex subunit Sec15-like family protein (AT4G02350) mRNA, complete cds

TGATGATCGTTGGAGCCTTACAATCTGATTCACTAAAGAGGTTTAATGTTAATGCTGTAATGGGGATTGATGT
GGATATAAAATTGTTGGAGGGTTTTGTGGATAGTCAAGCTTCTATTTTCGCGGAGGAGGATCTAAATCAGTTA
AAGGCAGCTCTTTCTGAAGCAAGACAAATGATTAATTTGCTTTTGAGCAGTCATCCAGAGAATTCCTGAATGC
AGTTATTCGAGAGAGAAGTTACTACAGTCTGGACCACAAGAAAGTTGTCACAATATCTGAGAAGCTAAAAGAT
TCTTCGGATCGGTTATTCGGAACCTTTGGAAGTCGGACAATGAAGCAGAATCCAAAAAAAAAGTCACTGGATA
CTTTGATAAAAAGACTCAGGGACGTGAGCTAATTGAGATAAGCATTTTCATGCTCTGTTTTCTATTTGTTTCTC
TTTCTGCTGCTGATTGAAATAGCAGTTATATCTCTTATTGGTTTCATTCCTAAGTTGTTTCTTTGTCTCCCAATT
GTTGTCTTCTGTTTGATTAGAGATGTGCACATTTTTGTATATTATCACATTTATGTAGTTGTTTCATACTTGTTT
ATCTTTGGAAAGTATCAGCAGCATTTTCATCCATGGAGACTCGGACTTGGAAACCTGGTTGTGGTGATAGTCTT
ATGTGCTGAAAAGTGGCCGCATCGGAGACTGATGATCAGAACTGAACCAAGTCCGTGTTTTGTGGATTACTCA
TAGACATAAGGTTTAGATGGGCTTCCTCCACAAAATCATTGATTGATTTACAGTCAATACCGCTTACAAGT
GTAATATGTCATTTGCCTTTAGTGTTGCCATTCTTAATGATAATCTTTCATTTTTGCTGTTAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2435 XM_002313085|Populus trichocarpa thioredoxin m (PtrTrxm5), mRNA

ACTTCGGTTCGTCATCGCACTCTCCGGCTTCGCCACTGAATTTCCATCCATCTTCTTCGCTCTCCTCCTTAT
GCCATTTTCTATTTGATTCTTCATTACTTCAACCTTCTTCTCTTAACCATGGCCGCCTCCATCTCTTCTCTAC
TCCTCAAATCATCCCCACCGCATTTCCCTTACTCTAACCTCAATTCCCTTCGCCTTTCTCTCCTCCTTCTAATC
TCCGTATCAATCGCCGTCCTAATCCTCGAAATGCTTCTCTCACTCTCAACATCCAATGCATCAGTCAACCTAAAG
CTGAGGTGGTTACTAAAGACTCATGGAACAAAATGATTCTAGAGAGCGGAACCCCTGCTGTTGAATTTTA
TGCTAGTTGGTGTGGACCGTGTAGAATGGTGCATCGAGTCATTGATGAGTTAGCTGCTGAATATGAGGGGAA
GCTGAAATGCTTTGTGCTCAACACCGACACTGATCTGCAAGTAGCTGAAGACTACGAAATTAAGGCTGTTCTT
GTGGTTATGCTGTTCAAGAACGGGGAGAAATGTGATAGCGTCATCGGAACAATGCCAAAAGATTTCTATATTG
CTGCCGTTGAAAGGGTCTGAAGCAGTAGGAGACATGAGCAATCGAATCGGATATCTTTGGTAAGGTTGACC
AGCTTGATTGTGCGAGTTGGTTGGCCATTTTGTGCTAAAGCTTTCCACTGGGTTACTAGTTATTGAGGTGTAT
ATAATAAATATAGCTTTTTAATCCCAAGTTTCTTACTTAGTTGGAATGGATTGTATAGCCCTCATTGTGTTGTCT
TTTCGTTGTGAAGTTGTTATAAAACATTGCTTCATTGCATTCCACACTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_2436 NM_104455|Arabidopsis thaliana ATP binding / nucleotide binding / phenylalanine-
tRNA ligase (AT1G55790) mRNA, complete cds

AGACAAACTCTTGACCCTCATTGACTTCATCATCTTCCCAAATCCATTGATTTCAAGAGAATTCATAATTTAAT
CCCCAATCGCAGTTCTCGATTTCAAACGTCGATTCAAATTTTAGTTTTACCAAACCCATCGCCGATGGAATTTG
TGCCGGAAAACGAGAGAACAGAATCGTCCGATGAAGACGAAGATGAAGAAGAAGAAGAAATATGGAG
GAAACACTACTCGTCCAGACACCGAATATTACTCGTAGGAGAAGGCGATTTTTCTTTGCACTGTGTTTGCCCA
AACACTTCGGATCCGCTCGCAACATCGTAGCTACTGTCTCGATTCTCAGGATGACCTAGAAAAGAAATACAG
CGACGGAATTAGGAACGTGAGGGAAGTAGAAGAAAGAGGATGTTTGATATTCTACGGAATCGACGTGCGAA
ATATGAGTACACATTTCTTCCTTAGAACTCAGAGATTTCGATCGCATCGTCTACAATTTCCCTCACGTGCGGTTCC
TGTACCGCGAGGACAGTTTCTGCCAAATTCATTGAACAAGGAATTGGTGGAAGGGTTTCTGAGGAACGCTA
AGGTTTTATTGAAGAAATTAGATGGGGAAATTCATGTATCGCACAAGGAAGGGGAACCGTACAACAAATGGG
AGCTGGTGGAGGAAGCCATGAAAGTGGGGTTGAAGCTGGAGGAACGGTGCCGTTTCAAGAAGGATTAT
CCGGGATATCAAACAAGAGAGCCGATGGAGGTCATTCCAATGCTCCGTTTTGGCTTGGCGATTGCAGTACTT

ACAAGTTTAAGCTTAATCACTCTGGCTGAGATGGCCATGGCCATGGCCATCGCCATCGCCATGCCGATCGATN
CACCACACACTAATTCAAGATGAAAT

>trans_s_2437 XM_002893965|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F27F5.25, mRNA

AAAAATATTGTTTGGCATCGAGACAGGGTTAGACCTCGCTTATCTCCTTCCCCAATGAAGGCAACTTTGAAGAC
CAAGTACGACGCTGACAAAAGCGGCGCCGCCTCTACTTTGGCTGTAAACGCCGGTGATGTCAAGCTTCGAGCA
TCCATTACCGATGCCACAATCATCAACGGTCCTAGTTTGAACGGCCTTGCTCTTCCGTCGAGAAACCAGGCTT
CTTCATAGTCGACTACAATGTCCCCAAAAAGGACCTTCGCTTTCAGTTTATGAATACTGTGAAGGTAGCGGAG
AAGCCTTTGAATTTGACTTACATCCATAGTTGGGCGGATAACAGAACAACTCTCGACGGGACTCTAGTCTTTGA
TTCGGCTAACAAAGTTTCTGCTAATCATACTCTTGGGTCAGGAAATTGTAAATTGAAGTACACCTACGTGCACG
AGGGGGCGACTACTTTTGAACCTTCTACGATGTTGCAAAGAATTCGTGGGACTTTGCTGTTTCAAGGAAGGT
TTATGGTGATGATGTATTCAAGGCTACGTACCAGACGACATCTAAGGTACTGGGATTAGAATGGACAAGGAA
TTTGAAGTCAAGCGGAAATTTCAAGGTTGTAGCATCGGTCAATATGGCAGATGAATCGAAAAGGCCAAAAGT
AACTGCAGAATCGACATGGAACCTCGAAGTGTAATTTTTAAATCAATCTTCCTTTTAAATCCCGTTGTGATTTA
TTGTGGAGTTTCCTGAATACATTTTGATGATTGAATCTGAAAATACTTTGTGCACTGAAAGTTAAAATACACCT
CAATAATCATAAGAAGCAGTTCTTCCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2438 AB024509|Nicotiana tabacum mRNA, complete cds, 2174 bp sequence

AAGAAAACGAGATTTAAAGCAGAATTTACAAGCGAGTCGAATAGCGAGAAGAACCGAATTCAATTCTGGTCT
TCTAGTTCAGAGCTTCACTTAAAGCCATGGAGAACAGTGCTCACAGGCGGATCAATTTGATTCATCGTCACCTT
CATTACCCGCCATGTGACTTCATCAACCCTCTTAATCTGGCACAACGAATGGTGGAACCAATTGCAAACCTG
GGGTAGCAGAGCCTGTGATTGTTGGAAGTATGGTGCTGGATATTACGCCATACCCTCCTTTCCGCCGTTCTCT
AGGTCAACCACTCCGGGCAAGATCAACTATATATTAGGAGGTGTAGCACGGAATGTTGCTGAATGTATGTCAA
AGCTTGGGGCCAACCTTTCTGATTAGTGTGGTAGGACATGACATGGCAGGGAATCTCTTGTTTGAGAAATTG
GAGATTGGCTGGGCTATCAACAGAAGGCATTCGGAAGCACAAAGATATCAGCACTGCTGTTGTGTGTGCCGT
AGTTGATTTCCATGGAGAATTGGCAGCTGCTGTGGCAAGTGTTGGAAGCTATTGAAAAGTTTCTCACACCTGAA
TGGATTGAGCAATTCAAGTGCAATATTCGAGATGCACCAGTGCTTATGGTTGATGCAAATCTAAATTCGCTTGC
TCTGGAAGTCTCTTGCCAAATGGCTGCCGAGTATAATACTCCNAGTGTTGTTTGAGCCTGTGTGAGTTGCTAA
ATCAAGAAGGATTGCTTCAGTTGTCAAGTATATAAGTTTTACTTCACCTAATGAAGATGAAGTATCGCCATGG
CCAATGCATTATCTGGTCAAGATTTGTTTTCTCCATCAACAAGACAACAGCATTACAATTGAATCTTTCTTTG
AACAATTTGAATCTGCTGTA

>trans_s_2439 HM126477|Hevea brasiliensis actin-depolymerizing factor (ADF) mRNA, complete
cds

TACATTTTCTCCCTCATTTCTTCTTCTTCTTCTCGTGGAACTTCTTATTTCTTCTCTCAAAATGGCCAATGCAG
CATCGGGAATGGCAGTGGATGAGGATTGCAAGCTGAAGTTTTTGAACTCAAGGCAAAAAGAACCTATCGCT
TTATTGTGTTTAAGATCGAGGAGAAGCAAAAGCAAGTTGTAGTGGAGAAAGTCGGTGAGCCAACACAAAGTT
ATGAGGACTTTGCTAAAAGCCTCCCTTCAGACGAATGTCGATATGCTATCTACGATTTTCGACTTCGTACGGAA
GAGAACTGTCAAAGAGCAGAATCTTCTTTATTGCCTGGTCCCCTGATTCTTCAAGAGTCAGAAGCAAGATGA
TATATGCAAGCTCCAAAGATAGATTCAAAGAGAGCTGGATGGCTTTCAGGTTGAGCTCCAAGCCACCGATCC
AACCGAAATGGGTCTTGATGTGATTGCAAGCCGAGTTGGCTGACCCTTATACTATGATTGCAACATTTAACATC
CAATTCGGATAAAATACTATCCAATTTCTTTTACATCTTCTTTTCAAGGTGAACGAGTGTCTTGGTCCTGGCTT
TGTGGTATATAATGTGTTTTGGATTTATGTTCTGATACGCCTCTTAGTTGTTTGACAACAACCTATACTATATAA

TTTTACCTTCAGGGGGAGATATTGGAGCAGGATGGCTTTGAGATTGAGCTATGCTGTTCTGCTTCCACTCCAT
AGATTGATATACAAGAGGAGTGAACATTTGTATTTGAGCAACTATTGATGTAATTTTTCTGTGTTCTTTTAGAC
TTTAAAAAGGTATTATTTGATTGGTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2440 NM_001052325|Oryza sativa Japonica Group Os02g0131300 (Os02g0131300)
mRNA, complete cds

AGACTCCACTGAACCATTTCAGTAGTCTTCCCTCCGGTTCGCATATTCGCCTCCTCTTCAAACCAGGGCTCTC
TCTTCGCATATAATCTCACTCCCAATTCTCAATCCATTTCCATTCATCGAAGCATTCCAACAAAGGCGCAAGCTT
AGCTCCACCATGGCTCTCTCATCTCGTCTCTTGCCAAATCCAAGCAGGTGCTTGGCAGTCAAAGTATTTTACAC
CAGGGGCATGCTTTTCTGTTCTGTCATTTTGCAAAAGAGGCTGCTCGGCCTGCTCTCAAGGGAGATGAAATGC
TGAAGGACATATTTTGGAAAGTGAAGAAGTTTGAGACAGCATTGGCTGTTTTCAAGAAAGAGAAGATCA
CAATTGATCCGGATGATCCTGCTGCTGTGGCTCAATACGCTAAGGTCATGAAAATGGCGAGAGAGAAGGCAG
ATCTATTCTCAGAATCACAGCGAATTAAATACACAATTCAGACAAGAACCCAAGACATCCCTGATGCCAGATCA
TACTTGCTGGCACTGCAGGAGATCCGGATTAAGAGAGGTCTCAGTGATGACCTTGGTGCAGAAGCTATGATG
TTTGATGCTCTGGAGAAGGTTGAGAAAGAATTAAGAAACCTCTCTTGAGGAATGATAAAAAAGGAATGTCT
ATTCTCATGGCCGAGTTTGACAAAATCAATCAAAGCTTGGTATTAGGAGGGAAGATCTGCCCAAGTATGAG
GAGCAGTTGGAACCTTAAATTTCCAAGGCACAACCTGGAAGAGATAAAGAAAGATGCTCTTGAGGCAATGGAA
ACTCAAAGAAGCGTGAGGAGTTTAAAGACGACGAGATGGTGGATACGAAGTCGCTAGACGTGAGAACTT
CTGTAGATTTTTCAAGCTTTTTCA

>trans_s_2441 NM_001061462|Oryza sativa Japonica Group Os05g0214400 (Os05g0214400)
mRNA, complete cds

TGAAATGAGAAATGAATATGAACATTTTCTTTGGTCATCGTTCTGAGTTTGGCGCCAAAGTTAGCTCTGTTCC
TTGGGTTTCATCATTAGGGTTTCGTTGATTTGATAAAGGATTAGGTTTCATCAATGGCTTCCTCACCTCCTTCTA
AACGCCGTCGTAAAAGCCTCGCTATTGATGACGCTTTTGAGACCTTACTTGCCACTTCTTCTCTGTTAATCGAT
TGTCCCCTGTCGTGGTTTTCGCTCACGGTGCTGGCGCCCCTTCTTCTCTGAATGGATGATCAGATGGAAGGAT
ATGTTAGGCAAGGCACTGCATGCCGTTGAAGTTGTCACTTTTGATTATCCATATATTTCTGGCGGAAGGAAATC
TCCTCCAAGGCAGAAAAATTGGTTCCATATCATGTAGAAATTGTCAAGAGGACAACCTGCAAAGTACCCTGGC
CACCTTTGATTTTGGCGGGTAAATCAATGGGTTGAGAGTAAGTTGCATGGTTGCTTGTGAGGAAGACATTC
ATGCTTCAGCAATTATTTGCTTGGGGTATCCCTTGAAGGGCTTGAAAGGGGATGTCCGAGACCAGACGCTGTT
GCAAGTTATGGTTCCCATCATGTTGTACAGGGTAGCAGGGATGCTCTGTGTCCTCTAGAGAACTGGAGGAT
ATTCGGAAGAGGATGAAATCAATCAGTGGTTTACATGTTATTGATGGTGGTGACCATTCTTTTCAAGATTTCAAA
GAAATATCTTCAGGGCAAAGGTTCAAGTAAAGACGAAGCCGAAAATCTTGCTGCTCAGGCCCTTGCTACTTTT
GTTGCTGGGTTTCTTGGATGGCTTAACTAAACCCTTCTTCTTGTACAAATGTGTGTTTTAGAGGTTGAATTTGT
ACATAAATGGTCGT

>trans_s_2442 AF096249|Lycopersicon esculentum ethylene-responsive small GTP-binding protein
(ER43) mRNA, complete cds

GTCTCGGTGCAGTCGATCGGTCCCAATCGGCCAATCTCCGCGCGAAATCATAGAATCTGTTTTTCATTTCTCTCT
GCGTTGATGTCGCCGACGACTTCCTAAGCTTCGTTAAGGGAAATCAAATTTTCGTTTTAATACTGGAAACCG
ATGGCTGCACCACCGGAAGGGCTCGTGCTGATTACGATTATCTCATTAAAGCTTTTGCTTATTGGCGATAGCG
GTGTGGGCAAGAGTTGTCTGCTTCTACGTTTTCTGATGGTTCTTTCACAACCAGTTTATCACCCTATTGGTA
TTGATTTTAAGATAAGAACCATTGAACTTGATGGGAAGAGAATCAAATTGCAAATCTGGGATACCGCTGGTCA

GGAGCGTTTCCGAACTATCACAACGGCTTACTATCGAGGAGCCATGGGAATTTTGCTGGTCTATGATGTCACT
GACGAGTCATCTTTCAACAACATTAGGAATTGGATCCGCAATATTGAACAGCATGCATCTGATAATGTGAACA
AGATACTCGTAGGAAACAAGGCTGATATGGATGAAAGTAAAAGGGCTGTGCCTACTTCTAAAGGTCAAGCTC
TTGCTGATGAATATGGAATCAAATCTTTGAAACTAGTGCAAAGACAAACCTGAATGTCGAGGAGGTTTTCTTT
TCAATTGCCAGGGACATTAAGCAAAGGCTCGCCGACACTGATTGAAGGCAGAGCCTCAAACAATCAAATA
AACAAGCCAGATGCCGAGCCGGGGATGGTCAAGCTGCCAAAAGTCAGCTTGCTGTGGCTCATAAATGGT
AGAAGAAAATCAAACCGATTGAAAGAGCGAAAAAAGATAAACGCTCTTCATATTGCAGTGGTGTCTTCTGGG
GATGNATCAAAGCCTGGTGAGA

>trans_s_2443 DQ444282|Gossypium hirsutum suppressor of K⁺ transport growth defect-like
protein (SKD1) mRNA, complete cds

ATATCATGTAAAGGATTACAGAAGTTTAATGCATATCTGACTGATAAGTGTGGTTTACAGGCCATTCGTCGAC
GATTGACAAAGCGAATATACATTCTCTACCTGATTGAAAGCCAGACAGCATATGTTCAAAGTTCTGAGAATT
CTATTTTATTTTCTCCAATAAAAGCAAGTTTTTTTTTTTGTGTGCTCTCCATGAACCTTGCTAATTATCTAGAT
GTATTTAAATAAGTGCATCTGGGGGATACACCACATAATTTAACAGAAGCAGATTTTGAAAACCTAGCACGCA
GGACAGATGGTTTCTCGGGTTCAGATATTTAGTTTGTGTGAAGGATGTGCTCTCGAACCTGTACGTAAAC
TCAAGATGCTATGTTCTTCATTAAGACTCTGATGGTATGTGGGTACCTGTGGACCAAAGCAACAAGGCGCT
GTCCAAATTAGCATGCAAGAGTTGGCAGCCAAAGGACTTGCCTCAAAGATTCTTCTCCACCAATTACAAGAA
CAGATTTTGACAAGGTCTTGGCTAGACAAAGGCTACGGTGAGTAAATCTGATCTGGAAATTCATGAAAGGTT
TACAAAAGAGTTTGGGGAGGAAGGTTGAGGAGTGAGTGTGTTATAGTTTTATCGAGTCTTATCTCAATCATCA
CTGTTGCATACAACCCATCAGAGTTGTATTTATTTGTTCCAGCTTCAACAAATTTATATATTTTCAATTGTCCA
TTGAAGGAGAAGCAAATATGAACATTTTGTATTGAGCAGAAACATTGAAATCTGACCTTTCTTATATTTGATGC
CTCCAATTTGTGTATAAAATAAGTACAAGAATTGAAATAACGAATGGTGTGTTGCTTAGTGATTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2444 DQ191627|Solanum tuberosum 26S proteasome AAA-ATPase subunit RPT4a-like
protein mRNA, complete cds

AAAAAAAAATTATTTTGCAGAAAGAGAGAGCATCTAAAGCTTCTTGCTTCCCAAGCTTCTCTGACTAATCCAT
CGGAACTTCCACCTCCGACCACCAAGAATGGCTGACAGTGAAGATGCTGCCCGTCGTCACACTGCGGTCAATG
ATTACCGCAAGAACTCCTTCAGCACAAAGAGTTAGATGCCAGAGTCCGATCTCTGAGGGAGAATTTGCGAG
CTGCAAAGAAGGAGTTTAACAAAACGGAACATGATTTGAAGTCTCTGCACAGTGTTGGTCAGATTATTGGAG
AAGTTCTCAGGCCACTTGACATGAACGCTTGATTGTCAAAGCAAGCACTGGACCTCGGTATGTGGTTGGATG
CCGCAATAAAGTTGATAAGGAAAAATTAACATCTGGTACTAGAGTAGTTCTTGATATGACAACACTCACCATT
ACGAGGGCTCTCCACGTGAAGTAAATCCTGTTGTGTATAATATGTTGCACAAAGATCCTGGTAATGTTAGCTA
TTCAGCTGTGGGTGGCTTATCTGATCAAATTACAGAACTGAGGGAGTCCATTGAGTTACCTCTAATGAATCCTG
AGCTTTTTCTTACGTTGGCATCAAACCCCCCAAGGGTGTGCTTCTGTATGGCCCTCCTGGTACTGGCAAGACA
TTGTTAGCAAGAGCCATTGCAAGCAACATAGATGCCAACTTCTTAAAGTTGTATCAAGTGCCATAATTGATA
AGTACATTGGAGAAAGTGCGAGGTTAATACGAGAAATGTTTGGATATGCACGTGATCACCAGCCCTGCATCAT
TTTTATGGATGAGATTGATGCCATTGGTGGGAGGAGATTAGTGAGGGAACAAGTGCTGATCGTGAAATCAG
CGAACATTGATGGAGTTACTTAA

>trans_s_2445 NM_001036464|Arabidopsis thaliana emb1067 (embryo defective 1067); tRNA 2'-
phosphotransferase/ transferase, transferring phosphorus-containing groups (emb1067) mRNA,
complete cds

AGTTACCAACTGCGGCATCAAAATTCTGCGCTGCCGTTCCCTTTTGCTTCCACGTGTCCTCATCACTCCAATTCC
ACTTCCCATCTCTCCCTCTCTACTCTCCATGGATAGGAGCAATACCACATCCTCTTCTTTTGCCCATTCCAGC
AAAAGTGGTGGAAGAGGAAGAGGTTTGGATTTGAGGAATGATAGAGAAAGAACGAGAGACCGTGGTGAG
GAGGCGGTGGCTCTGGTAAAGATAAAATTGACGCTCTTGGTAGACTCTTGACACGAATCTTGCCTCACATGGC
TTCTGAGTTAACTTGAATATGAGGAACGATGGATATGTCAAGGTTGAGGATTTGCTAAAGTTGAACTTGAAA
ACATTTGCTAATATTCCACTGAGATCGCACACAATTGATGACATAAGGGAGGCTGTTAGGAAGGATAATAAGC
AGCGTTTCAGCCTCCTGGATGAGAATGGAGAGCTCTTAATTCGAGCAAACCAAGGCCATACAGTCACGGCGG
TTGAAACAGAAAAGCTTATTAACCAATTCTTTCGGCTGAGGAGGTGCCAGTATGTGTCCATGGCACTTATAA
GAAGAATTTGGAATCAATTCTGGATTCTGGTTTAAACGCACGAAAAGATTGCATGTTCACTTCTCATGTGGTT
TGCCAACAGATGGGGAGGTTATCAGTGGTATGAGACGAGATGTCAATGTTTAACTTTCTTGATGTCCAAAA
AGCTCTTGAAGATGGAATGAAGCTTTACATTTCCGACAATCGGGTCATTCTGACTGAAGGTTTCGATGGCATG
GTGCCAATAAAATACTTCAAAAAGATTGAGTCATGGCCGAATCGACAACCTATTCGTTTTGAGCCTGGAGC
AACGATACATGATCATGAATT

>trans_s_2446 BT000475|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

GGGGGGGATTAGAAGGATATTTATTTCTAGAGGGAAAAGAATATCCGTTTCGTTGCATTAATCATCGCCGTT
CTCCACCATGACGACAATCGGATTCCGCCTTTTCTCAGTTCCTGCCGCCGTTTCACCACCTTCTCAAAGTCCGAA
CAGCGATCAATTTCAAGAAAGCCAAACGCTGCGCCATCAACTTCCGATTACTACATCTCGCAGAGGCCTCACC
ATGCTCTCATTTATCTCTGCAATGCCGTCTCTGTTTCTCCGCTCCCGCCAGTGCTTCGATATCGGCATTTAG
GACCAAAGGATTGGTTGAAGGAGCAGAAGAAGAAGTCCTCCAAATTCCTTGGCACCAATTGAGGCCTCCA
GAGACAGCCTTCAAACAGTTTACCTTTGCTTTCCAACGATTCCGATTACTCAAATAAGGATATGGAGGATGTT
CAAAGACTGCTTAAGTCCGCTGCAAGGGATTGCGTTTTGAAGGACAGAAGTTCGTTTGTTCAATTTCAAGCGA
GCACTGGAGTCGAGGTCTGTACATTCCAATTGATTGTGAAAAATGCAGCCTCCTTGCTTGAAACAAAGATCC
TATAAACTAGAAGCTGAAAATCTATTAAGGATCTAGTAAGCTCTTTCACATCTCTGAACAGTCTTGCTTATG
AAACTGATATTCAAGTCAATTCCAATAGACAAAAAGTACTGGATGCACTGAATGATACCATGACTTCCCTCGAC
AAATTTGAGAAGGGTATTAAGGATTGTCTTGAAATTTAACTCCAATTAACTTTTCTGTAATTATATTTTCTTG
TCTAAACAAGCAACAACTAGATGAAACCAAAAAAAGCTTTAAGCTCAATCTCAGTTAGCTTCTTTATTGCT
AAATCTAGTGATT

>trans_s_2447 NM_125378|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S15A (RPS15aF)
(AT5G59850) mRNA, complete cds

GCGGCTGGATCACCTCCTTGAAGCCGACGCCTCCATCTTCCATTAGAAATCATTGGAAGTTTTAATTTGGAAG
AATGGTGAGAGTTAGTGTGTTTGAACGATGCTCTTAAGAGCATGTACAATGCAGAGAAGAGGGGCAAACGACA
GGTCATGATCAGGCCCTCTTCTAAAGTCATCATCAAGTTTCTTGGTTATGCAGAAGCACGGTTATATTGGTG
AATTTGAGTTTGTGATGATCATAGATCTGGAAAAATTGTTGTTGAACTCAACGGCAGGCTGAACAAATGTGG
GGTTATTAGTCCTCGTTTTGATGTGGGTGTTAAGGAAATTGAAGGTTGGACTGCTAGGTTGCTCCCTTCCAGA
CAGTTTGGATTTATTGTGCTGACAACATCTGCTGGAATTATGGATCATGAAGAAGCAAGAAGGAAGAATGTTG
GAGGCAAAGTTCTTGGTTTCTTCTACTGAATATGGTTTTGAGCATCCATTATGGAGTTTTGACATAGCTTTCAA
ATAGTACTACATTTCTGTGCGTAAAGAAAGATCCTTATCCTGTATTGATGATTAGATTTTGTTGCCAGTTTC
TCATTTCTTAAGTTAATTTCAAGGAAATTTTTATTGTTTTCGTGAAGACGTTTTGGTTCTTTAATTATAATGGAA
GAGAACTAGTGCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCTGTTTTCTGTCACTTGAGTTTTCAAGTTC
AATAATAGTTATCTTAGAGGGACCCGGAGCCAGCCCTTTTAAAGCTGTACTCAAATTTCTAGAAATGTTATAA
TCGGAGTCTTGACTTTGCATTGTTTCAGAAATTAGACCTCATGGATAATAATTGAGCCCTAAAGCTTAAACC
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2448 NM_105914|Arabidopsis thaliana tRNA synthetase beta subunit family protein (AT1G72550) mRNA, complete cds

TTCAACTGATTTTGAGGTTTGTTAACCCCATCTGGGTTTTGATCAACTTGGCCCTTGGGATACCGATCTGAATA
TGAAACATGCTAGAAATTATTTCAACTACAAACATTTGGTGCTTTTACAAAGTTTTGCAGTTTTTCAACATTGCC
AGGTTGTCCGAACCAGTCTTATGCCTGGTCTTTTGAAAATTGTTGGACATAATAAGGATCACCCAAAGCCCAT
AAGATATTTGAAGTTGGTGATGTATCACTGCTGGCGCTAGAAATCATCGTTATCTTGCTGCTCTATAATTCTGG
ATTTGAATTGATTCATGGTTTGGTTGACCGAATGATGGAAGTCGTGGGAGCTCCTTTTGTCTCAGTTGGCGAT
GATACTGGGTATTACATAAAATGTTTCAGATAACCCGGAGTTTCTTACTGGTAGACAAGCTCACATCATTATAA
AGGAAAGAAAATTGGCACTTTCGGAATTGTTTCATCCCGAGGTTTTGGAGAACTTTGACATTCCCGATCCATGTT
CCTTAGTTGAAGTTAATGAGAGCTTTTTATAGCATTGATTCCACAGTCGATGATACGAGTTTTGAGGTTTT
TCTCAGCTAACTCTCTTCCAAACAACACACGTTCTGTGTTTCGAGAACTCGAAGGCTGTCTCGCTTCAACTTTA
ATCCCTCATCTAAAGAACCACACTCAGAACTTTGGCCATTTGTGGTGTAATTGTATGCCAAAACGTTGGTTCA
CTCTCCATTAAAGTTTTTAACATTCATTGTCAAGATTTCAGGCAACTAATTTTTGGTATTTAATATACAACGGT
CTATATTTCTTCACTCCTTTTCAATTTTCATCCAATTGTTTGTGTTATATAGTTTAGGGCTGGGTATTGATAAAGC
AAATTA

>trans_s_2449 NM_127816|Arabidopsis thaliana UCP5 (UNCOUPLING PROTEIN 5); binding (UCP5) mRNA, complete cds

CACGCCACCGCCGCCACAAACCCCTCCGCGAACTCGCCGTCACGTGGGTCCCCAGTCCGTCCTTCATCACTCC
CTTTTCCAATATCGTCAAATCAACTTCTTCTCTCATATTTTCTTAGTTTCTCTCTCAAAACTCATCTCTACTTC
ATCTTTTTTGTTCCTTTGTTTTTAAATTCTCTTCTTTTCCAAATGGCCACCATTGAGGTTGAATCAGCCCCAG
TAGTATTGCCAGAGCCTGAGGCAGCTCCAGCAGTCCAACCTGAGGAGAAAAGTTGTAGAAGAGCCAGTGGCTG
AAGAAACCCAGCTCAAGAACAAAAGGAGGAAGCTGCCCTGAACCTGTGGAGGAGGTAGAGAAACCGGCA
CCCGTTGAAACTGAACCGGTAGTCGAAACCAAGGAAGAAGTTGTGGAAGAGAAGGAGAGCAAGCCAGAGG
AGGCAGAGCCTGCAGCCGAACCCGAAGCACCAGGCGGAGGCGGAGGCTGAAGAGAAGGAGGAAGAGACCAA
AGAGGAGGCAGTTGAGGAGAAAGCAGAAGAAGAGGCTAAGGAAGTGAAAAGTGAAGAAGTTGTTGAAGAG
AGCTCAGAAGCTGCAGCACCAGCTGAAGAAGAGAAGCCAAAAGCAGAGGAATAAAGAGAGAAAAGTTTAAAA
TGTTAAAAGTTGGTTGGGGGAGTTAGTTTTTTCTTATGTTGTTTGGGTCTATGGATTGAGGCAAAGTCATATGA
GAGTTGGGAGTTAAAATGGCTATCTATGTATTTTCGTAGTGCCAAAGTTTCAACTCGAATTGAGTCACAAAAG
AGTTTTAAACACAGAGTTGGATTAAAGGTTTGCCAATACGGGATATGGAAGTCAATACCCACAAGTGTCATT
TCATTCACTATTCTGTGTGGTTGGATAT

>trans_s_2450 NM_124555|Arabidopsis thaliana AHG1 (ABA-hypersensitive germination 1); catalytic/ protein serine/threonine phosphatase (AHG1) mRNA, complete cds

TGGAGGACGGGTGATTTTCGTAAATGGAGCCCGTGTTCAAGGAATCCTTGCAATGTCCCGTGCGATAGGGGA
CAAATATCTCAAGTCAGTTGTAATATCGGAACCTGAAGTTACTTTCACCAAAGAGAATCAGAGGATGAATGT
CTAATACTTGCTAGCGATGGTCTGTGGGATGTTCTTCAAGTGAGTTGGTTTGTGAGGTAGCTCGTGAATGTCT
CCAAGGAGTGGCAGCTACTACTACTACAATAGACCTCAATGCTGTGCCTCAAATTGAAGAAGAAGGGGCTGG
AACTTCTTATCCTTCTCGAAGTGC GTTGGCTGCTGCATTGTAACTCGTCTTGCCTTAGGGCGGAAAAGTACAG
ACAACATCAGTGT CATGGTTATTGATCTAAAGAGGAGCTGAGGAAACAAAAGAAAACAGAAGTTAAGGTTTG
ACCGTGCGAACGTTGCACAACCTTGTCTGAACTGGAGGAGGCATGATTCATTAATGTATGCCCTCGTAGGT
GAGAATTTATTTTTCTAATGTGTAGGTTTTCGATTGAATTTATTAGTTGAAAAGTTGTGTTGTAGAGTCTGATG
AGAGGATGTTTTGGTATTTTATGTCATCATGAAGCACAAAAGAACTGATGATTGGAAAAATTGTGTCCATGTA
ATCCAACATTCTCCAGCCACATGATGTTGTTGAGGAGCTTTTATGGTGGATACAAGCACGGTCTTACATGCTA

GAAAGATGAAGCTTTTCTCTTTTGTCTGTGAATTAAATTGGACAACATTTAGTTAATGTATCATTACAAGGTTT
GTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2451 NM_001069019|Oryza sativa Japonica Group Os08g0557400 (Os08g0557400)
mRNA, complete cds

GGGCTTTGCATTTGCAGCTTAGAGTTGACGCAAATCTTGTAAGCCATTTTGTCTCTCTGCTTTGCTTCACCTC
TGAATGTCTCGCCATTGATTGCTTTTCGACCTATAAAATACCCCCATCTTCAGAAATTCAATCTTTCTCGAAGTT
CTCGTCGAACCCATTTCTCAACGTCATTCGTAGCTTCTTCATGGCCGATTCTTCTCTTTCCAGAAGCTCAGAAA
CAGAGACGAAACCTTTCTCTGTGCTTTTCGTTTGCTTAGGTAACATCTGTAGAAGCCCAGCTGCTGAAGGAGTA
TTCAGGAACCTTGGTGACGAAGAAGGGTCTCGATTCCAAATTCATCTGATTCTGCTGGTACCATTGGTTATCA
TGAGGGTAATGAGGCCGATCCAAGAATGAGGGCAGCCTCCAGACGACGTGGGATAGCCATAACATCCATCTC
GAGGCCAATCCAGCCATCTGATTTTGTGAATTTTGTCTTATTCTTGTCTATGGACAAGCAAAACAGAGAGGAT
ATTTTGGGGGCTTTGAACGGTGGTGACAAAGAATGGCCTTCTCCCGATTACATAAAAAGGTCAAGTTAA
TGTGCTCGTATTGTAAAAAGCATGACGAAACCGAAGTACCGGACCCTTATTACGGTGGGCAGCAAGGTTTTGA
GAAGGTTCTGGACTTGCTTGAAGATGCCTGTGAATCACTGTTGGAAGCATCTTAGCAGAGAACAAACACATT
TCAGATTAATGATTTTTGCAAATAATGCAAATTATTCAATTAAAGCAATGGTGATCCATACGTGGAATGGATT
TCTAGTCAGTTTGCTGTTTATTCTTACCGAAGAATATTTGTCTTACTCGAGCAAGTTGATTTGAAGTTGAATGTA
TCATTGCAGCCTT

>trans_s_2452 XM_002299290|Populus trichocarpa isomerase peptidyl-prolyl cis-trans isomerase,
mRNA

AACGGAGCAGCAGCTACTCTCTTTAGCACAAATCTCCATCCATGGCGTCTTCTCTCGCTACTAGGCCTCTGGT
TGCCCTTCGCTTCTGGTTCCCATACCAAAGCTTGGGGTCCCTCTAATTCGGTTAAGCTTCATATGCTTCGATTGCC
GTCCTCTCCAGTTTTCTATCGGGTTCCTTGCACTTTCCTTCTCTCACTTCTTTGAACCCCTTGCTTCGAGG
ATTTCTGTTCTGAGCTTCGTCCGAGCTAGTGCTGAGGTACCTCCTTTACAAGCGAAAGTGACAAATAAGGTGT
ATTTTGATGTGAGCATTGGTAATCCAGTAGGGAAGCTTGCTGGGAGGATTGTGATTGGATTATTTGGGGATG
ATGTCCCCAAACGGCAGAGAATTTCCGTGCTCTTTGCACAGGAGAGAAGGGCTTTGGATTCAAAGGTTCTGC
CTTTCATCGTGTAATCAAGGATTTTCATGATACAAGGGGGTGACTTTGACAAGGGAAATGGAAGTGGGGGCAA
AAGCATATATGGCCGTACATTTAAAGATGAAAACCTCAATTTGAGTCATACTGGACCAGGAGTTGTGAGCATG
GCGAATGCAGGTCCAATACTAATGGAAGTCAATTTTTCATATGCACTGTCAAGACACCATGGCTGGATCAGA
GGCATGTAGTTTTTGGGCAAGTCTTGGAAGGGTTTGAGACAGTTAAGCTAATTGAGTCGCAAGAAACAGACC
GTGGTGACCGGCCGTTGAAGAAAGTCGTATCAGTGATTGTGGCGAGCTTCCGGTGGCCTAACTTATCTGTGA
CCAGATAACTAATCCTATCTCTGGATTTAGCTAATCTTCAATTAAATGATCTTCTTCAAGTCTTTTGTCTTAA
TCTGGTTGTTGGGTGAA

>trans_s_2453 AY373465|Glycine max phosphoenolpyruvate-carboxylase kinase (Ppck) gene,
complete cds

AAAAGCTCTCCTACTTCTATAACTACACCCGATAGAGAGAGATAGACTTTGAGAATTTTGTAGAGAGCAAA
AACCAAAATCCCCCAATTTCCCAAGGAACAAGTAGAAACCATTCCTCAGCAATGGCCGACATGATCGTGAACA
GCCAATACCAACCCCTCGAGGAGATCGGAAGAGGAAGGTTCCGAATCATCACTCGCTGCTTCTGCCAATCTC
CAACAAGTTCTTCGCCTACAAAACCATCTCTAAAACCGATCTCATCGATGAAACTGACAAGGAATGCCTTGTC
AAGAACCCAAAATCATGGCTCTTCTCCCTCCCATCCCAACATTCTTCAGTTAATCGACGTTCTCGAGAACGACC
ATTACCTCTGTTTGATTTCGACCTCTGTGAACCCCTTCTCTTTACGATCGGATCATCCGTCGTCCCTTTCTGA

ATCTGAAGCTGCCGTCGTTATGAAGCAGCTTCTCCAAGCCCTCGCTCACTGTCATTCCCATGGCGTCGTTCATC
GCGATGTCAAGCCTGACAATGTGCTCTTCGATTCCAGGAACAATTTGAACTCATCGATTTCCGATCGGCTGA
GTGGTGTGATGAAGACGGATTATGTACGGTGTCTCGGAACGCCTTATTACGTTGCGCCGAAGTTTTGAGA
GGATCTGAGTACGGCCGGAAGGTCGACGTGTGGAGTGCCGGTGTGATTCTTTACACGATGTTGGCCGGATT
CCCCGTTCTACGGTGAATCTGCGGCGGAGGTTTTTGAGGCTGTTCTTAGAGGAAATCTTAGATTTCCGACTA
GGTTTTTAGGTCGGTTTCTTCAGCGGCTATTGATCTGATGAAGAAGATGATTTGTCGAGATGTTTCTAGAAG
ACTCTCAACCGAACAAAG

>trans_s_2454 NM_179417|Arabidopsis thaliana ATP-dependent protease La (LON) domain-
containing protein (AT1G35340) mRNA, complete cds

TGGATCCTGTCGCTGTCAGTGACTCATCAAGGGAAATATCGTTTGCAGCTAGACATGCTTGTTTAGTTTTATT
GAGAATTTTCAGCTAATTGCAGGTCGAGAGATTGCAGGTGGGGGCATTAGTTACCATCAGAGGAATTGGACG
CGTCAAAATCATTGAGCTTCTGCAAGCAAGTGGATCCTTATTTACGTGGCAGAATTTTATCTGTGAGGGATAAT
ATTGTTCAAGATGAATGTTTCGTTAAGTTCAAAAGTGATGGACGTCAAAAACGTTCTTCATAATTTGAATAGTTT
GGAGATCAAATTGAAGGCTCCCAAGGAGGTATTGTTGCAGACTCAAATACTGAACTCACTTAATTGGGCTGAA
AAGGGTATATATGTGGACATTGATCAAAATTTTGTACCATCGTTGGCCGAAAGAGTATCGTTCGCAGCCTTCC
AACCAATTTTCAGGATCAACTAAATCTGAATTACAGAGTTTGCAGCTAAAAAACTCAAGGCAATGGATATGAA
GAATACACTTGAAAGGCTAAATAAATCATTGAAATTAATAAAAGAAAATATTTCTACGGTGGCAGCCAAACTT
GCTATACAATCAATTGAAATTTAGTAGTCTGAAAATATGGCTTGGACATTCCGTGGTGATGATAACCAACCCC
AATCATGAAAGGTTGTGAAGTTGTCAACGTGGGAGTTCATTTACTTTGTTGGCCATACATGCAATCCTAAAC
GTATTTATGCTATTTTAATTATTTTGTTTTTGTTTTCTTTCTTAAACTGATCTAATAAATTAAGGACATAC
ATTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2455 FJ901243|Vitis vinifera CBL-interacting protein kinase 15 (CIPK15) mRNA, complete
cds

AAAGAGGGGCTTCTTGAGCAAATCCGGCGAGAAATTTCTGTTATGGGGTTGGTTCGTCATCCTCATATTGTGG
AATTGAAAGAAGTTATGGCGACGAAATCGAAGGTGTATTTGTGATGGAGTATGTTAATGGAGGCGAACTGT
TTGTGAAGTTGTCTCAACAAGGGAATGACTGAGGATGGAGCAAGAAATTATTTTCAACAGCTTATCTCTGC
CGTGGACTTTTGCCATAGCCGTGGTGTCTCTCACCATGATTTGAAGCCTGAGAATCTCCTTCTTGACCAGAATG
GGAATTTGAAGGTTTCTGATTTTGGCCTCTCTGCGCTGCCGGAGCAGCTCCGATTGATGGTTTGCTTCACACA
CGGTGTGGAAGTCCGGCTTATGTGGCGCTGAGGTGCTCAGAAAGAGAGGATACGATGGCGCCAAGGCGGA
TATTTGGTCTTGTTGGGGTGATTTTGTGTTGCTTGCTGGGACTTTGCCATTTGAGCTGATAATGCGATGA
AGTTGTATAGGAAGATTTTCAAGGCGGAGTTTGAGTTTCTCCATGGTTTTCTCAGAAGCCAAGGAAATGGT
GTCTAAGCTTCTGGTTGTTGATCCTCAAAAGAGAGCTTCAATGGTTGAGATAATGCATAGTCCTTGTTTCAAG
AGGGCTTCACAAAGCCAGTTTCATTCCTTGAGAAAGATGAATCAACAATGAATCTCTGAATTGGCTAATCCC
AAGTTGTTGCCATCTTCTCCTCTTTTACAATGCATTTGAATTCATTTCTCAATGTCCTCTGGTTTTGACTTGTC
TAGTTTGTGTTGAAAGCAAGAAGAAACAAGGCTCTATTTTCACTTCAAATGCCCTGCTTCAGCCATTATAGCCA
AGCTTCAATCTCACCG

>trans_s_2456 DQ056441|Lycopersicon esculentum ACI19 (ACI19) mRNA, complete cds

ATGGTGGTGGAGAAGGCGTTCGGATGATTTTTCATAGCCATTAATTTGATCCCAACACGGAGAGATTTTCTGT
TCTTCGTTCTTTTGATTTCTTTTACCTCTATTTCTACATTCTTCGTTCTTTATTCTATCATTCAATCCATTCTC
GAGATTTTATACTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCATCAATGGCGTTCAAGAAAACCTAGCTCACCGTCTCTTA

ACCTTTCCAAAATCTCCGCGCAATCCCTTACCAAATGCCGGATTTCCTCTTCTCCCTTGCTGTTTCGTGTTCCCTCC
CAATACTAATACTTCCAACATTGCTCATGATCCGGGAGATCATTCCGTGTTTCGTGTTTTCTTCACAAGCGGG
CGGTTTTTACCCAGCCGGCGATTTCGCCGGAGCTTCGGGAGTTGGCAGCCGGAGGGAACATTGTCGAGAAAGT
TTAAATCTTTAGGGATTGCACCAGATCGTATCCGACTTGATTGCCTGCGTCCTCCTGCTTCGGAGACGTTGGCT
CTGGATCGGGATAGGTCCGACGTGAAGAATGGATTGACAGTGGAGGATGCGAGGAAGTTGCTTAGGGTAAC
GCGGATGGAGATGGTGAAGAGAAATTTGAGAGAGATTCAGAAATCGTGGATTCCGTATACGGAATTCATTAG
GGTTTGTGTCAGGGGTGTGATGATTCTGATCAGGGACTTGAGATTGCTCAAATGCTTGATGAATCTGGGACT
GTGATTGTTTTAGGAAACGTGGTGTACCTCAGGCCTGAACAGGTAGCTAAAGCCATTGAAGGCCTAATCCCCT
TACCATCAGTCATTCCAAATGATGCCATAAAGGGAAGAGCTTTTGAGCATGGAGATCCAGAAAGCTGCAATCG
ACAAACGAGCCG

>trans_s_2457 NM_111934|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT3G10970) mRNA, complete cds

CAGATGAGGCATACGGCTTAATTTTCTCTTGGGATAATGTTGTGGCAGATACTCAAACCTTTAAAGTTAAATGCA
TGGAAGCAACTGCCTCAGAAGAAGGAAAAAGAGTTCCTGAAGATGGTGATATACAGAAGCTAATGCTTTAT
GAAGGTGCAGATCAAGTATTGCAGAAGCTTCTACGATGGGGCATGGCAGAAAGTGAGCTTGATAGACTGAA
ATTGAGGTTTTACAGTTGTATTACAGAGGCCTTCTTCTCTTAAACACCCAGTGGATGGTCTCAAAGAGTGGC
TGGTTGCCGTTCTACAGCTCGCATTCCCTGTGCCATTGTTTCCAGTCTTGATCGGAAACACATGCTTGAAGCAT
TGGACCGAATGAGTTTGAAGAAATATTTTCAGGCAATCATAACAGAGGAAGACGGTATGGAGTCAATGGCTC
ATAGATTTCTATCTGCTGCTGTGAAGCTGGATCGAAAGCCTTCCAAGTGTGTGGTGTGTTGAAGATGATCCTCG
GGGCATAACCGCTGCTCACAAGTGTACAATGATGGCTATAGCATTGATTGGTGCCACCGCGCATATGATCTG
GTGCAGGCTGATCTTGCAAGTTGGTAGCTACAACGAGCTTTCAGTGATCAACTGCGGAGATTATTTGCTAATA
AGGGTTCGACATTTATGGATCTGCAGAAGCAGAGTGTGAGAAAGCTCCATCAAAAAGAAAGCTTACCATTG
ATACAATATTCTGATTCTTTTTTTTACATTCCCCAGTTCTTTCATGTATTTAAGTTGGTCATGATGTCAATCTTT
TGTTGACAAAAATCCGAAATCCTAAAACTTCAAATGAAATTAGGAAGAGTGAGTAGATGAATATGGCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2458 EF611045|Hevea brasiliensis ethphon-induced protein (Etle) mRNA, complete cds

TCCCCCGGCTTCCCATTTCTCTCACCTTCTTCACTAAATCCTTTGCCCTAAACCTTAAGCTCCCAAATTCTTTCT
CACTTCCGCCCAATTTTACCATGAGAACTGCTCCCCTATTCTACGCCGGCTGTTCCGATTACCTTCTCCACGAG
CCTCACTTCTCGAGGCATGTTCCCTTTGCCGGAAGCTCTCGGACGCAACTCCGATATCTTCATGTACAGAGG
AAACACTCCGTTTTGTAGTAAAGAGTGCCGGCAAGAACAGATTGAAATCGATGAGGCGAAGGAAAAAAGTTG
GAGGCGTGCTTCATCTTCGTCATCGTCTTCTTCTTCTTCTTCTAAGAGCAGTCAAAGTCACAGAAAAACAAGA
AGCTAACAAAGAAAAGTGTACGGTCCGGCACCGTTGCGGTGGCCTGAGATCTTCAAATTGGAACAAGGCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAGAAAATTTCAATTTAGAGAGAGAGAAACACTTTCCCAATTT
GGAAAAAAGAAATTGTGGAGTTTAGTGGATACTCATAATGAAATTTCCATCAACAGCTCAAGGACTTGAT
TTTCGAACAACCAAAAAAGAAAAGTTAAGTTAATAACTTTTAGATCAATACATGTGTATAAGAAAAAAGGAAA
AAGGGAAAGCATCTTTGATTCTGAGCTGAAATTGGTGTGTTTTGGTAGTTCAATTTGGAAAAATAAGGAAAA
AAAAAAAAAACTCAAATATTTAAAAGAGAACTTTTATTTATCTTTGCTCCTTAATTTTGGTGGTTGAGAAT
AAATTGTTTGAAGATCGATAAATTGAATATTTTAAACAATGAGTAATATTCGTTATAGAAAAA

>trans_s_2459 BT024865|Arabidopsis thaliana At1g67600 gene, complete cds

AATAGAATAGAAAAACAATTAAGGGAAGGGAAGGCTTTTCTTTGACGACCAATCTCCGAATTCGATCTTCCTC
CCCAATCGGAATCACATCCTCTCTCCCTCGTTTAACTTTCCGGTGACTAACCAGAGAGGTACAGTTTTGTGCTG
TGTGTTTCATGGACGAGGTGATGACGGTTGGGGATGCAGCCTCATCTCCATTAAACCTCGCCGGCTCCTTTC
CTCGTTCCAATCTCCCCCTCCTCTCCGCCTTCTCGCTGGCGCCATCGCCCAGTTTCTCAAACCTTTTACCACCT
GGTATAAGGAAAGAAAATGGGAATCTAAACGGATGCTTGATTCTGGCGGAATGCCTTCATCTCACTCTGCAAC
TGTGTCCGCTTTGGCCGTTGCTATTGCCTTCCAGGAAGGATCCGGAGGACCTGCTTTTGCCATCGCCCTGGTCT
TTGCATGTGTTGTAATGTATGATGCTACTGGTGTGAGACTTCATGCTGGTCTGCAAGCCGAGTTGCTGAACCA
AATAGTTTTCGAGTTTCTCCTGAACATCCTTTGTCCAGTATTAGACCATTGCGAGATTCAGTTGGCCACACTCC
ACTTCAGGTTATTGCAGGTGCTGTGTTGGGATGTGTAGTGGCTTTTTTGATAAGAAATCAAATTAAGCGTG
GAATTTGTACATCAGGATTGAATTCGACATACCGTTGGTTGGAAGCACTCGAACCTTAGAAAAAGTGTAGTGA
AAGAACGGGTGGTGTCTAAGGTGTTGTGTAATCAACTCAGATGAATGCAGAAATGATATATTCTTTTGG
TGATAAAAGCCTCTCGATCATCCCATTCACATTGAAATTGTTGCCTAGATTTGCATATATATATGAATAGATACA
CCTAGTTTTAATTC

>trans_s_2460 EU580727|Citruillus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA,
complete cds

ATTCCCATTTCATCTTTATTTATAATCTTCTTCTTCTACTTCCCACATTCTCAATTCTCTCCGTTCTTCACCAAATTA
TGAGACCCACGAACCTTATTCGGCAACAATTCCGACGCCGAGAGCGTCAGTAGCGTCAGAAGGGGTGACC
GGAGAGCTTTCAGCGGTCCAATTTCTTCTTCCAATACCAAGCCTAGGAAGAATGCTAAATTCGACCTCTCTTCT
TCTTCTTCTCCTCAAAGCCGCCGATGAAGACGACACCTATGTTGAAATCACCTCGATATCCGTGACGACTC
TGTCGCCGCCATAGCGGCCATACCGCCAGGGCCAGACAGGATCCAAACACTCTTGAAGACCCTGAACTTTCT
CTTCTAGCTAAAAAACTCTCGAGAAGAAATCTTCTTCTTCCGAGCCTCAGGACTTCGATCCACTTCTTCCCGT
ATCAAACAGGTCTCTCAAGAGCTTAAACGCTTACGTCACCTAACCGCCGCACCTCCACTCGCCGATTGACCCG
GACTAAATCTGCTGCCACCCATGCTCTCAAGGGTATGAAGTTTATTACTGCCAAAACCGGTGGATCCTCTGCCG
GTTGGGGTCCGTTGAGAAGCGGTTGATGAACACTACTACCTTACCAACGGACTCCTCCCTTCTTCTTGTGTT
GGACAGTGCATTGGTAGTTGCTCGTTAATTCATTCTAAAAACAGAGCTCTAGATTTACTCTGTTTCTTATATT
GGTTCTTTTCCGTTTTAGGAATGAACAAAGAATCGAAAGATTTGCGCCGGTGAGCTTTTCCGTGCACTTGCTCGT
AGGCGTAACATTACTGGTGATTCCATCAACAAAGCTCAACTTAAAGAGGGAGTTTCGACTCGGGAATCATCAC
TAGGATCTC

>trans_s_2461 NM_115169|Arabidopsis thaliana UPL7; ubiquitin-protein ligase (UPL7) mRNA,
complete cds

ACTGAAGAATCATTTGGCAAACGACATGTTATTGAGCTTAAACATGGTGGCAAGGATATTTCTGTTACAAATG
AGAATAAGATGCAGTATGTTTCATGCTATTGCTGATTATAAACTTAATCGACAGATATTGCCTTTCTCAAATGCG
TTTTATAGAGGTTTAACTGATCTTATATCATCGTCTTGGTTGAAGTTATTTAATGCAAGTGAATTCAATCAGTTG
CTTTCAGGAGGAAACCATGATATTGACGTCAATGATTTGAGGAATAATACACGATATACAGGTGGTTACACAG
AGGGCAGCCGAACAATTAGTATTTTTTGGGAGGTCATTAAAGGATTTGAACCAAAGATCGATGCTTGCTTCT
TAAATTTGTCACCAGTTGTTCTCGAGCTCCATTACTTGGATTCAAATACCTGCAACCAGCTTTTACCATTATAA
GGTTTCATGTGACGTACCTATTTGGGCTTCAATAGGAGGACAGGATGTCGAGCGGCTTCCAACCTGCTTCCACT
TGCTATAATACTCTCAAGCTTCTACGTACAAACGTTCAAGTACTTTGAGATCAAACTTCTCTACGCAATCAAT
TCCAACCTCAGGATTCGAACCTTTCTTAATGTACCTGATACCAGAAAATCTGACTTGGAGCAACATAACTCATCAA
TTATGCATTATTTGTCTTCTCGCCTCACTTTGGGCAGGGCGACAACCTGATTTGGTCCAAACCTACATCTAATTA
TTTATTAGTTCATTAATAAATGTGAGTGATAATTGTTCTCGTTTCCAATCTGTGGCACATCTAAGGCCGCTGTT

CTTTTGATATCATCTATCTTATCTATCTTCGGCTACGCCACAGTTTTAGCCTGTTGGGAGGAAACGTCTGAAAAA
AAAAAA

>trans_s_2462 AF081954|Cucumis melo allene oxide synthase (AOS) mRNA, complete cds

ATTCATAACAAACAACAACACAAAACCAAACACTCTCCTTTTTCTCTGAATCAAACCTACCCTTTCAGAGAATTT
TTGGCGAGAAATGTCCTCCATTGTCATTCTTCTCTTCAACCTCACTTGCGATTCCCATCCTCGCAAGAAACGCC
TCAAAGATCTCGTTCTAGAGTTGGCTTCGTTTCCATACGTCCAATCTACGCCGCCGACGGAGTTTCTTCTCGTC
TTCTTCTCTCTTCAAGTGCCGCAGCGGATTGTTTCGCCGCCGGAACCCACCAAGCTTCCTTTGAGGAAGGTTTC
CCGGTGATTATGGGCCACCGATGTTTGGGGCGTTGAAGGACAGACATGATTATTTTATAATCAGGGGAGGG
AAGAGTATTTGAAATCTCGAATGCTCCGGTATGAATCCACCGTGTATAGAACTAATATGCCGCCGGGTCCATTT
ATCACTTCCGATTCCCAGATTGTTGTTTTACTCGACGGGAAGAGTTTTCTGTTCTTTTCGACCATTCTAAAGTT
GAGAAGAAAGATCTCTTTACCGGAATTACATGCCTGTAAACAGAGCTCACCGGCGGTTACAGGGTGCTTTCTT
ATATTGACCCATCTGAGCCCGATCACGCTAAGCTTAAACAGTTGATTTTCTTCTCCTCAAGCACCGCCGGGAT
AAAATTATGCCGGAATTTCACTCTACTTTTTCTGAGCTATTGAGACTCTGGAAAAGGATTTGGCTGCTGCTGG
TAGAGCAGAGTACAATGCTTCCGGTGAACAAGCGGCGTTTAATTTCTTGGCTCGGTCTCTTTTCGGCGCTGATC
CGGTAGATTCCAAATTGGGTCTGATGCGCCGAAATTGATAGCGAAATGGGTCTTATTCCAGCTTTGGCCTGT
TCTGAGTCT

>trans_s_2463 NM_121980|Arabidopsis thaliana peroxisomal membrane 22 kDa family protein
(AT5G19750) mRNA, complete cds

CAGCTACATTGTCTTCTGTGAAAATTCTGCCTGATTATCGCCGGCGACAGCCGAAATAAACAATCACCATTTTC
CTCCGTTCTATAATTTTTAAATCCTAGTGCTGAGCTCTGTTTTGCAAACTTCTCTCCTTCAGTTCTCTTAGCT
TTCTCATCGTCCACGACGGCGATGGTTCCTGTGGCCTCACTCTTCTCTGAAACCTCCTATCCTTTGTA CTGT
ATCAGTTTTAATGGCGGACACATTTCACTTTTCGGCCTCCAAGCTCCAATTCTTGAAACCCAGTTCAAATGAA
GGGGACTCGTGTCTTCTTCCGCCATAACCATCGATTGGATTTAATGATGTGGGTGGCGTCAAATGCAATGT
GGGTCTGCTGAGATTTACGGATTTTCGGATTTTCAGCATCTCTGGTGATGGCTCTGGCGATGGGTTTGGGTCTG
GAGCTGGCGATGGTGGACATGGAGGTTATGGTCATGAAAATTCTGGAGGCGGAGAAGGAGATAGTGGCAAA
AGCGGGAATAACTGGACCTTCTTGACTTGATATGTGACTCTTCTTCCAAAATACCCTGCTTTGGTGAAATCTAT
AACATCTGGAATACTAAATGCTCTGGGAGATTTAATATGCCAGATTGTTTTGAAGAAGCACCATCAGCAGAC
CTGAGAAGAAGTTTCACTTTCTTTTGGGGCTTGTTAGTCAGTCCCGCATTGCATTTCTGGTACTTGAT
CTTAGTCAGTTGGTGAACCTGCCAGGGGCCTCAGGTGCATTCGTCCGACTTCTTCTCGATCAGTTCATTTTACT
CCGGTATTCCTTGGGGACTTTCTAAGTGGATTAGTAACACTAGAAGGGCGTCCATCACATATTATTCCTAAACT
TCAACACGA

>trans_s_2464 NM_001062827|Oryza sativa Japonica Group Os05g0557800 (Os05g0557800)
mRNA, complete cds

AACCCTATTTTCAATTCACGCCAGCCACCCCCTCCATCCCCTCTCTCCCTCCATCTCACTGCCACCCTCTGCACGCC
GGACGCCACCCCTTCCCGACGTACCGACTACCTCCCGGCGAAGTCTCCGCCACTTCATCCCTCCGACATTGCT
CGCTCTAGACCAAACAGGGTTGGTTATCTCTGTTTTTTCTCTTTTACTCAGAAACAGAAAGTGTTTCACTGCC
TCACGCCCACTGCCGGTCATTTTTAGATCCCCGAGCATGTGTAGGAGTTGTATATGGATAAGGCCATAAGGA
TACCACCATGGCGAACAGACGGTGTACAAGTAACTCGTCATGCCTCAGCCATTCTTTCCACCAAGCCA
TATATCCACACGCTGAAAATTGCACCTTCCCTCCTTTTCGAGAATTTCCATACTCATGCTTCTCTATCAAACCTGCC
TTTCTGCTAAACTGATCCTTCTTGTGTACCTACTGGTCACATACCCGATATCTCTCATCTGATAGTCGGAATG
GCAATGAGGATGATTTTACTGAAGATGAAGATGAAGATGAAGATGATGAAGCATATGATAGTGAGGATGAT

GGTATTTTCGACATCGAGTAGGGTTATGAAAAAGGAGTATACAAAGGAGGAGATGGAGGCTGAAGCAGCTGC
TATTGGATATAAAGTATTAGGGCCACTCGATCAATCTGAAGGGATTTTCAAGCCTTACGAGCCTGCTTTTGCTG
TTGTTTCAGATTGGCTCACACCAATTCAAGGTTAGCAATGGAGACAGCATTTTTACTGAGAGATTTAAATTCTGT
GATGTGAATGACAAGTTGATATTGAATAAGGTTCTCTTGTTGGCTCAAGTAGCCCAAACAATGTAGGTAGGC
CAACAGTACCA

>trans_s_2465 NM_001066316|Oryza sativa Japonica Group Os07g0516200 (Os07g0516200)
mRNA, complete cds

AGTGCGAAGAGTGAGGACACCTACACCGGGACGATCAGGGAGATAAGCGATGGCTTGGTGTGCGACTCGGT
CCTTTCACATGCCGGCGTTTCGACGTCACTGCACTACGCTCCAAGACTCCCTTGCCGTCGGCGTTGGTTGTGTA
TCGGTGGCCGGAACACCTTGTGGCGGTCTTCTCAACTTCCAAGCGTCAAATTCCTTCGCCTCCCTCGGCAT
TTCCACCAGTTCTAGTATCAAGGAAGCTGTTTCAGACTGACAAGGCTCCAGCGGCATTAGGGCCATATTCTCAG
GCTATCAAAGCCAAACAACCTTCTCTTGTGTCTGGTGTCTAGGTCTAACTCCTGAGACAGGGAAATTTGTCTC
AGATAACGTTGAAGACCAAACGGAGCAGGTCTGAAAAATATGGACGAAATATTGAAAGCTGGAGGTGCCA
GCTATTCTTCTGTGGTTAAGACGACTATTATGTTGGCTGATCTGAAGGATTTCAAGAAAGTTAACGAGATATAT
GGTAAATATTTTCCGTCCTGCTCCAGCTCGGTTCGACATATCAGGTTGCAGCATTGCCTTTGGATGCTAAGGT
CGAAATTGAATGCATCGCTACACTTTGAAGGCCTCTGACCTAATTTTCAGGTACCCAGTTTTCAAGACAGAGTA
AATTAATAAAATGGAGATATCAATCACAGCACAGGAATTCTGGATCTTGTTTTCACTTAGGCTTTTCTTGTTATA
GTATCGTAAGTGGGTGACATGAACATTAAAGTTAAACGTGCTTTTTACCATTGAAAAATCAAAGTTAGATAAAC
CATTTTGATTGATGAGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2466 XM_002867206|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

GGTTAGGCGAAACAAGTGGACTAATCCGTAATTTCAATAAATGACGCCATTGCCGCTTGCCGGCTGCTCATC
TCTCTTCTTCTCTTCACTCTCTCACTCCCATGTTTTGTTTCTTCTGTAGCTTCCCCACCGATTTTTTCTC
TTCGATTTGAAGAATGTCTACACAAGAAGCTGCTTCTCAACCGTTCTTCTTTGAGTATGAGCTTCTTGATG
GTGATCCTGATCATGTTAGGACAGTGGTTGCTTCATCTAACTATTCAAGCCCTAGGATTGAACCTTCAAAAGTT
AAGCTTAGGCATCGAATTGGGCGAGGTGTATTTGGTGATGTTTGGTTAGCAACTCACCATCAGTCTACTAAGG
ATTATGATGAGTACCATGAAGTTGCAGTGAAGATGTTGAATCCTGTTAAAGAAGATCATATGAGGGTTGTTTT
GGATAAAGCTTCTCTCCCTGATGTATTGAGATATGGAATCAATCTAGCCCAGGGGATTCTTGAATTGCACTCA
AAAGAAATCTTGGTTCTTAACCTGAAACCTTCAAACATGCTCCTTACTACCAAGGACCAAGCAATTTGGGAGA
TGTCGGAATCCCTTTTCTACTGCACGGTGACCGATACCAAATTCGGATATAATTCAGAGGCTTGGGACGCCTA
ACTATATGGCACCAGAACAATGGCAGCCAGAAGTTAGAGGTCCAATATCGTACGAACTGATTCCTTGGGGG
TTTGCTTGCTGC

>trans_s_2467 NM_001048546|Oryza sativa Japonica Group Os01g0147200 (Os01g0147200)
mRNA, complete cds

ATAGAAGAGAGCAGCTGAAGAAGAGTGGCCTTGGAAGGTTATTATGTTTCTATCAAATCTGATGAGGAAA
CATCCAACCGGAAACTTGCAAAAGATTTAGTAGATCAATGGAGTCGACCCATATTTAACAAAAGTACTAGATT
CGAGGACATGAGAAATGTGGAAGATGAGAGGGTGCCCTTCAGAAGACCATTGGCGAAAAAGTCGGGAAACA
AAGCTGCTGGAATGGAATCTCGAGATGGGGATCTTGACTTGGATGAATTTTACAGGGACGCAAGTCTGGTC
AGTCATCCTCAAGGCAACATGCTTCACGACCAGAAGCAACACCATTGGATTTTGTATCCGACCCCAATCTAAG

ATAGATCCAGATGAAATCAGAGCTCGTGCTAAGCAAGCTGTGCAAGATCAACGTCGCATGAAGATGAACAAA
AAGTTGCAGCAGTTGAAGGCTCCAAAGAAGAAGCAGCTTCAAGCCACAAAACCTCAGCGTTGAGGGTCGTGGT
ATGGTCAAGTACTTGTGATGTGGTGTTATTTATCTGGTTATCATAAGAACTCGAAGCTGGAGTCTGCCATCTCG
ACCCTGGCTGGGAAGTCTGCAGATGGCTTAATAATGAAGGACGCAGATCCCGAAGCAGCACATTCGGTCGC
TCATCTACCGAAACTCCACAATCAAACATCCACAACTTTCTTCTACAAGAGATCTGAATTGTTACTCTCTTTTG
CGGTTGAAAACGTATTTACTCTCTTTTGCCGTTGAAAAGGCAAAATGCTTAAGTTTTACTTGTACAAAAACGAT
CTTCCTTCCTTTGTTTTGGATTTGGATTTGAATTTAAATGTGAATCGGAACGCCCTTTCCGAGTATTTTAATGT
ATCGATGGTAAAAAGAAAAA

>trans_s_2468 NM_001049167|Oryza sativa Japonica Group Os01g0257400 (Os01g0257400)
mRNA, complete cds

TAGATACCATCACCCACCAGAATTGGTTCCTCGAGGCCAAGTGTGCTTAGCCAACTAGGTCTTCCTCTAC
GCCCCGGGTGCACCACCTGTACTCACTTCATGCAACGAGGAATGTGCAAGTTTGGCCCCGCGTGCAAAATTTGA
CCACTCAATGGATCGACTTAGTTACAGTCCATCTGCATCATCTCTTGCTGATATGCCAGTGGCACCTACCCTGT
GGGATCGGTAGCTGGTACTTTAGCCCCATCATCCTCATCCTCAGAGTTGAGGCCTGAACATTTTTCTGGATCCA
GAAAGGATTCTAACCTTCAAGAATGTCTTCATCAATGAGCACCTCTAGCGGATTGGTCGGTTCAACTACATCA
AGGACAGAAATGCATTCTCTTCAAGTGTTCAACGGTCTTCTCAAAGTTCTGGCCCGTCAGTGGGGAGTACCTC
CAGCAGCACCAAGTGC GGACGGTCGTACTTGAAGCTAAGCTCCCCAGGATCAAAACATCCTATTTTTTGCCCA
AGCCCCAAAACCAAAGACCTTTCTTTTCTATTACAATGGTCCCATAGTCCAGGTCTAGCATACCTCACCTCTGA
CCTTCTGTGTCCATACAATCCTTATATTTAAATTTATCTCAGCCTGAATAAGTTATGGTCAACCTAAAAGAATGT
AGCAAAATTCGTACAGTTTTCTGCCTCTGCCTTATGAATAATCCTGAAAGCAGCGATAGCAATTAGGTACCTCT
GCATCACAACCTCCTTTCTGGCGTTTGTCACTCATTTTTGCTGCTTTGATCAATCTTTTCGAGACAAACAAAAT
GGTCTGTTCCACGATGATTTCTTTCAAGCTATGCTCTGCTAATGCTATCTCTTTCCAGTTTTCTGTGACCAG
GGCGCA

>trans_s_2469 AY664405|Brassica napus SCARECROW-like protein (SCL1) mRNA, complete cds

ATTGACGTTTTTCTACTGATCGGCATCCATTAAATTTTTGACTTGAACCCCAACTTCTTTTCTTTGGATTTTGGAA
TCGTACTTTGTTTTATGAATTTCTCGCTCGTTTTGATGAACATTTGAGCAGCGATTTTGGTTCCAATCGATTAA
TGGCTCTTCTCGGCTCCGCAATTACCAACGAGGTTGGATTGCAGCTACTCCTTATCCTCTTGGTTCCAATGTTGT
TGTTCTGACGGCATGCTGCTCCGTAGGGATCGTCTTACCTGTGTATTCCACCTTCAAGGCAATTGAGAAGAAA
GATCAAAATGAGCAACAGAAGTGGCTTCTGTATTGGGCAGCCTATGGATCTTTTAGCCTTGTGAAGCATTCTC
GGACAAACTTCTTTTATGTTTTCCAGTGTAATCATCTGAAGTTTGCCTTTCTGTTTGGCTCCAGTACCGGC
AACTGATGGGGCGAAAAAACTATACACGAGCCACCTGCGTCTTTTCTCCTGAAGCATCAAGCAAGAGTGGAT
AGGATTTTAGGGTCCATTTCTGATGAAATGGTAGCTCTTCGATCTTACAGTCAATCACGGCTCTGTTTCATCGT
CACAGAAATATTATTTGTCTTCATCCATGGGTTGGAATCATCCAACCTATAATATATAGAGTTTCAAGCTTCGTA
TTCACAGTCTCCTCCATTTAATGGGTTTGTGTTTTTCAACTGCAGGTTAAAACCATAGCAGACATCAAGCAG
AGATTGAGTATTTTAGAACAATTGTTATGAAAATATTGGGATCAGACGAACGATCATCAAGGCTTGATCAGC
CAGACCAAATGGAGCTGGAAGAAGCTACAAATTGAGGATCAAAACTCAGATGCAGAGTCCGACATAAATGAT
TGACTTGC

>trans_s_2470 XM_002310380|Populus trichocarpa glutaredoxin (PtrGrx2), mRNA

ATACCGCAATTACCCTCCATTATCTCTCTCTCAAAATTGGATCTTTTTCTTTACCAAATTTGCAATAATAATGCAC
CAAGCAATTCCGTACCGGACGTGGATTCCGGCCCGGCTTCTCCTCCCGCAAGGCGCACGAGCCTTCCGGCG
ATGGGGTTGAAAAATTAGTGTCCAAAAACGCCGTTGTGGTTCTTGCAGGCGTGGGTGTTGTATGAGCCATG

TTTTGAAACTGTTGTTGTTGGGCCACGGTACGAACCCGGCCGTTGTCGTGGTTGGTGAAGAAGATGAAGTCG
ATACTACCGGGGAGATTGGAAATTTTGCCTCCGCCGCTGGAGATGGAAGAGTGCAGTTTCCGGTGGTGTAT
TGGAGGGAAGATGTTTGGTGGGTGGAAAAAGTGATGGCGGCTCATATTTCCGGTGAATTGGTACCGGCGTT
AAAAGATGCCGGTGCTTTGTGGCTGTGATTTTGAATAAAAAACAAAATCTAGTAAAGTATATTGCCGATGGC
TTAAATTAATTTTCGATCTCAGATACCCTCCGAGAGTGGATGCAGAGGAGAATTTTTTAAAGTTTATCACATAT
GAAATTTTTCTTTGAAATTTGATCCTAGAGGAGAGGCAGATTTGGTAGCTGAGATTTAAAAAATCTTGTAAT
TATTTTGAGTTTTCATTTAATAATTATTAATAGCCCACTAACTTTTTTTTTAATCACTACATTTGAGAATATATA
TATATATATATTTGTCTAATTTATAGATTTGTCGATGTAAAAATAAATTGATTACTTATCTTTTTCTCTACGTGA
CATTAGAGGGACCGGCCATATCAATCAAAATATTGTTGTGTGTGTGTGACTTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2471 AB426520|Rosa hybrid cultivar mRNA for beta-glucosidase, complete cds

ATATCCAAAAAGTAAATTACAAAACATACAAAGGATGGCTTTCATACACAATAATGCCTTCCTTAGTTTAGTGT
TTCTTCTTCTTTTCTTGAGGCCGTTCAAGCTGATGCACCATCTCCACACCATATTGATTAGTAAAAAGAA
GTAGCTTTTCTAAAGGTTTCATTTCTGGCTCAGCATCTTCTGCTTATCAGTTTGAAGGTGCTGCTCAGGAAGAT
GGAAAAGGACCAAGCATTTGGGATACCTATACCCACCAACACCCAGAAAAATTTATGATCACAGTAATGGA
GACATAGCTATTGATCAATACCATCGCTATAAGGAAGATATAGCCATTTTGAAGAAGATGGGTTTTAATGCCT
ACCGATTCTCAATGGCTTGGTCTAGAATTTTGCCAAAGGGAAAACTTAGTGGAGGAGTGAACAAGAAAGGAA
TTGAATATTACAACAACTCATCAATGAACTACTTGCAATGGCATCCAACCGTATGTTACCCTTTTTTATTGGG
ACACTCCTCAAGCGTTAGAAGATGAGTACGGAGGCTTAGGGGACCTCAAATTGTGAATGATTTTCGAGACTA
TGTTGATCTTTGCTTCAAAGAATTTGGAGATAGAGTGAAACATTGGATCACCTCAATGAGCCATGGAGCTTT
AGTATGGGAGGCTATGCCCAAGGAGCCAATGCTCCCGGTAGATGTTTCGTCTTGGCAACCATATAATTGTTCTG
GTGGAGACTCTGGCACTGAACCATACATCGTTGGTCATTATCAACTTCTCGCTCATGCCGCTGCTGTCAAAGTT
TACAAAACAAAATACCAGGCACATCAGAAGGGTTTGATTGGTATAACATTAGTGACAGTTTGGTATGCTCCAT
ATTCNAATAGTGAGG

>trans_s_2472 AY127012|Arabidopsis thaliana At1g03250/F15K9_13 mRNA, complete cds

AATCTAATCCTTCTCTCTGTTCCCTCTTCCCAATTTCTAAGGCTCTGTTTCTTCTTTTTCAATCCTTTGATTTCGAT
CTTGCCCTAATTTTCCCATCTCCATCTCCCTCATCTTCATCTTTGCGCGATTCTCCCTTTCCGTCTTCTCATCCAA
CCTCAAAAAATCACCTTCCCTACAAGATTTTCAATCCCATCCACAACAGGGCAAACACCACCTTGGGCTTCAA
TCGGATTCTTTTTTCTCTCTAATCATGGCTTCCACTGATGTTCTTAAACGAGAAGCGAATCCTTTCCCTTTTT
CCCTTCTAACGATCCACTCAATGGTGATACGGATTCTCGGGGTATGTCAATCGAGAAGAAGATAGAATCTT
GGAGAGCTTGACTGGGAAGGTTACCAATAGGAAGTCCCGCAGATGGTTAAACGATCGTCTTTTGATGGAGCT
TGTTCTCGCTTGAATGCTGAAGAAATTAGAGGGCTGTTTGCTCCACCACCTTGGGGTGATGATGTACGGCCC
ACAACGTTCTCCATGACTAATGCAGAAGACTGGGACAAGTTCAGGAGTATTGACATGGATAAAGAGGCTAAG
ATCATTGGAGTCTTCGAGAACTCATCTTCTAAGAGAAAGGGTCATATTGATGCAGATAAAATGGCTTTCTTGA
ATGCCTGGCGTAGAATTGAATGTCGAACAAGGGAGGCTCTTCGCCGTAGTTTTCGTGCGGAGCTTGTTGAAG
GTTATGAGGAGAGCATAAGATCATTTATTTTCAAGACACTTGTAAGAAAGATGTCTTAATCATGCGAGTTCAAGA
TCCATTCCACAGATTATTGCTACATGGAGTTTGTGAGTTCTACAATTTGGATTCTGTGACCGTTCTGGAGTCAA
GAAACAGGG

>trans_s_2473 NM_113031|Arabidopsis thaliana electron carrier/ oxidoreductase (AT3G21360)
mRNA, complete cds

ATTCCATTTCTACTATATTTGATACAGTATTGGGGCCGCAAAATGCGTTGTCGTCGAGCTCTTCTGAATCTAGA
CCAAAGCTCGTACAGGTGGAACACCGCAGCCTCCCTCCACCGCACAACTCATCAGCTGCCGCGTCAGCGTCA
AGCGCCACCGTAAACACAAAACCTCAAATCCAACTGCCGGCGAACTGTTCCCCCTAGTATATCAGAACTACC
ATGGCCGTAGAGAATTTAATGGAAATTCAAATTCGCATCAGAAACACTACCGTGGAAGTTATTTCCCATTAGT
TTTATCGCCGTCTTCGGCTTCTTTAGTATTTCTGCTCCTTCGCTCAAGCCATCAAGGCCCAGAAACCAACAATTGA
TTCCTTGATTCTCAACTCCGGAGCCATACTCTTTAGAGGTTTTCCGGTAGAAGCGGCATCCGACTTCAACGACG
TCGTTGAGGCCTTTGGTTACGAGGAGTTTCTTACGTCGGAGGTGCAGCTCCTCGAAGTAAGGTCGTTGGTCG
GGTTTTACGGCCAACGAGTCCCCGCCAGACCAAAAGATCCCTTTTCATCACGAATTGGCCCAGGTGTCTGAA
TTCCTGCCAAGCTGTTTTTCTATTGTGAAGTAGAGCCTAGAAGTGGTGGAGAAACACCCATTGTTCTCAGTCA
TGTTGTTTATGAGAGAGTGAAGAGAAATATCCAGAATTTGTTGAGAGGTTGGAGGAACAGGGCCTAATTTA
CACTCGCGTGTGGGAGAAGACGATGATCCATCATCTCCAATCGGCCGTGGTTGGAAATCTACATTCTTGACT
CACGATAAGAGCATTGCTGAAGAAAGGGCAGCTAAGTTGGGGATGAAGTTGGAGTGGTAAAAGATGGAGTG
AAACAGTAATGGGTCCATCC

>trans_s_2474 DQ988169|Brassica napus photosystem I P700 apoprotein A2-like (psaB) gene,
complete sequence; and photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

AATGGGTGGCTTCGCGATTTCTTATGGGCACAGGCATCCACGGAAACCAATATAACGGCTCTCGAATATCTG
CATATCGCCTCTTGCTCCTAGGCGCTCACCCACGCAAATCCCCGAAAATTACAAAGATAAGTGCGGGCGTGG
TTATTGGCAAGAACTTATTGAATCCATCGTTTGGGCTCATAATAAATTAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTA
GAGCCTTGAGCATTGTCCAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATG
GGCGTTCTTCTAGCAAGAATTATTGCAGTCGGATAATGGCTAGGAGGATTTGAAAGGCATTATGGCACTAAG
ATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGC
ATGACTTCGAAAGTCATGATGATTAATCTGAAGAACGTCTTTATCAGAATATTTTGTCTCTCATTTTCGGGCAAT
TAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTA
CAGGACCCTTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCACGGGTGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTGCAAG
CTTTTACTCGAGGTGGTGCTCTTGGCCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGGTTTATCAGTGGTGGTATACAATC
GGTTTACGCACTAATGGGGATCTTTATACTGGAGCTCTTTTTCTATTATTTCTTCTGCGATATCTTTAATAGCA
AGATGGTTACATCGAACCAACCGAAAACCCGGTTTTACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGC
ATCGATGAAGAACGC

>trans_s_2475 AL161565|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 65

AGGGGAGAAAGAACAAGGCAAGTAGGGGAAGTGAACCTTTCCATAGGAATTTCTACGGCGGTGCCGGTTTA
GGAGAGAGTTGAAGGCGAAACACCGTTACCGGAGAAAAATGGGCGCCGGAGAGGAGCAACAACCGGAGC
CAACCTTGAGAACGTAACCACAGCATCTTCATATCGGCAATTGCAGAGGACCTGCAGCGCACGGTTGTTCA
ATCAAAGGATTCTGCAATTCGCTCTGCTCGTTCTCTCCAAGAGGCCTCTTCTCCCATATCCGCTCCTTCAGGA
TTTTGTACCCCGGGCAACATCACAGTTCAAACCTTACGAAGATGCTTTTTTCCGCAAACCTTACAGATGAGCTTA
AGATAGCTAGGGAACACCCAGCTGCCACGATTGGAGTTGCTGTTACAGCTGGCCTTCTCATTATGCGAGGACC
AAGAAGATTTCTTCCGCCATACGTTGGGTCGATTTCAAACCTGAGGAGGCGAGTTTTTTAAAGGCTGAGAAG
CATGTAAAGGAGTTGAACCTTTAGTGACCTCATGAAGAATGAGAGCAAAAAATTGCTTGAGAGGGCTGCT
CTAGCTGAAAAGGATATGAAATACGGCCACAACGAGCTGATGAATGCTGGAAGTCAAATTCAACATCTTTCAA
GGTCAATCTACAAGGCTGAAGCCCAAGCTGCAGATTTGATGGATGGGCTGAGGGAAATTTCTGGTGGCTTCG
ATGACAACATTTTTGAAGCGTCAAAGGACTTTGCTTGAAAATAGGGCAATGAAAGTCTCCGACATGGGGATTCT
CTCTATGATAAACTGGAGATTGAGGTATGGAGTATGTAACCTTGTTCCCTGCTAGCAGATGCCTATGACAATTT
GATCTTAAATAATTTCCAATGTGGGG

>trans_s_2476 NM_001036117|Arabidopsis thaliana TAF7 (TBP-ASSOCIATED FACTOR 7); general RNA polymerase II transcription factor (TAF7) mRNA, complete cds

CTCTCGAGTCTCGACTCCCTACCCGGCTACCCCGCGCCATCGGTATCCATATCCTTCCATCTCTTGCTCTTGCTT
GTCTCTAGCCGGCGTCAATCATCAAAAGAAGGAAACAGTTTTACTCTCTCTTGACGAGGGCTGTTTCAAGCTC
GATCCAAAGTATAGAAAACCTTCACACAATAACTTTTCGAGCTTTCAAGCTTTTTGAACTCTATATCCGAAAATTCA
ATCCCTGAATCCAAGGTGTAGGCCTTTTATGAGACCAGAAAGAAGCGTAGCTCGAGGGATAGAGTTTTGTTCA
TTTAGACTCTGAAGTTATGGAGGAACAGTTTGTATTGAGGGTCCACCGTCTGTTGCTGAACGAATTGAACGT
CTACTAAATGAAAATGCTTCTTCATCTGAAGATGCTTCATTGGATTGTCTTTCTCTGAGGACGGGAGAAGTGG
AACTTTTGCCATTGGTGATGATCATTTTCCAGCATCTCTTCTGGATCTCCCTGTGTAGTGGAATCCTACAAAC
ATACGATGAACTGTGCTAATCAAAGCTGCAGACATTGGTCAGATGATTATGGTTAGAGAACCGGGTGATCCT
GCTCCAGATTCTACTGAGTATAGGCATGGTCTGACCCCTCTATGAGGGATGCTCGAAAGCGTAGGTTTCGAA
GAGAGCCAGATTTAAATCCTGAGCTTGACGACGTGTGGAGAAAGATTTATTAATATCATGGCAGGAGGAA
CTACTGAAAATGCAGATATCCTTCATACGTTATGGTTATGCTTTTCAGTTTCATTTGTGTTTTAAACTCATTAGC
ATATTAGTTGATGAACAAACGTGTCCATCTCCACCTCAGCCGCATCGTTTAAGATTGTTTAAAGCTAATAATA
TAATGGAATTGAG

>trans_s_2477 XM_002523123|Ricinus communis sphingolipid fatty acid alpha hydroxylase, mRNA

ACTTTTGCCTCAACCCTTAAAAATCTCTTCTTTCTCCCCCCCCGCACTCCGTCTCTCGATTTCACATCAAACAAA
ACAACCTACCACCATTCAACCCATTCAAATTCATTATTCTTCAATCAATCAAATCAAATCCCCTTCTTCTACA
TTGCCTTCACTGCGCTTGCCACTGGAATCTACCGACAGTTATCACAATGGTTTCGCAGCAATTTACTGTAGAT
CTGAATAAACCACTTGTTCCAGGTTGGCCATCTTGAGAAAGCATATCAAGAGTGGGTTACCAGCCTATTA
TCAGCAAGGAAAGACCTCGATTCTTCAAAGCGACTTTTGGGAGTTCTGTACATGCACAGCATGGTGGGCGGT
TCCAATCATATGGCTGCCAGTGGTCTGTTGGTTTGTTCATGTCTGTCAACATGGGGCACACATTTTCTCAGAT
ATCACTAATGGTGATCTTTGGCATTTCATTTGGACATTGATTGAATACATAGTGCATCGTTTCCTATTCCATAT
TGAAACCCAGAGTTATTGGGGAAATACCATGCATTACCTTATTCATGGTTGCCACCACAAGCACCCAATGGAT
AGTCTGCGACTTGTTTTCTCCTACTGCAACAGCTGTTCTGTTAGTTCGGTTATGGAACCTGGTTAAACTCTTTT
TCCCATCATCTATGGCTCCTGCTCTGTTTGGAGGCGGGTTTTGGGTTATGTGATCTATGACGTTACTACTACT
ACTTGCATCATGGCCAACCCACAGGGGACATGCCAAAAAAATTGAAGAAATATCATATGAATCATCACTTCCG
CATCCTGAATAAAGGCTTCGGCGTCACTTCACCACTTTGGGACAGAGTATTTTGGACACTTCCTGGATCTAAAG
TAGCT

>trans_s_2478 BT022095|Arabidopsis thaliana At5g04440 mRNA, complete cds

TTACTTCCTTCAAAGCCTCAAATATCAATATCCGTTACAGTTCCAATTCCTCTCTGCAAAATTCTCCTACTTCTC
TAATGGCCTTCAGCTCTTGTTCTCCCTCTTCCATTTCCCTTCATTACAAAAACCTCAAACCCCTTTTTCTTTCACC
CACAAGCCATTCTTAATACTTGCTCCTCTGCTAACGATTCTACCAGACCTTCACTTCCAATCTCCACGAATTCC
AATCCCAAAGCCCGCTTCGTCGCCCCGAGGAGCGAGTCCGTCACGGTTCGGCAGCTGGAACGGCCTCTAAAT
GAGTATATGAGTTTGCCGGCTAGTCAGTACTCGGTGTTAGATGCGGAGAGGATTGAACGGATTGATGATTGT
ACTTTTAGGTGTTATGTTTATAGATTTAAGTTCTTTGCTTTTGAGGTTTGCCCTGTTTTGGTTGTTAGAGTTGAA
CTGCAGCCTAATGGATGCTGTATCAAGCTGCTTTCATGTAAGCTTGAGGGCTCCCCAATTGTGGTTGCACAGA
ATGATAAATTTGACGGACTGCTTGGACATTGATTGGTGTGCGGAATGCAGCTTATATGGTGAACCAGATCTCTT
ACGATGTGAATCGAGGCAACTCACCTTGCAGAACTCACATCGGACACAGTCATTGAGGTTAATATCGAGAT
TCCTTTCGCTTCCGTGCAATTCCTGTACAAGCAATTGAATCAGCTGGGACCCAAGTTCTTGAACAAATATTGA
AGCTTATGCTTCCTCGCTTTATAGCCAGCTTGTGAAGGACTATCAAGCATGGGCCTCTGGTGATACATCAAGG

CAACCTCTTGGAACAGGTGAAATCTGAGATTTGTATCCAAAATCTATGCCAGATTTTCGACTCTCGAAGTCGT
TTGTTTTCC

>trans_s_2479 NM_001063027 | *Oryza sativa* Japonica Group Os05g0591900 (Os05g0591900)
mRNA, complete cds

GACCCACTTCTATAAACTCGATCCTTGTTCTCAAACCGCCCTTGAATTCCAATCGCAGTGGTTTGTGAAGTTTAA
CACAAACTAAAAGGTTCAAGATATGGGTAATCTTTTTGTTGTGTGCAAGTGGACCAGTCCACTATAGCTATCA
GGGAGAGGTTTGGCAAATTTGAGGAAGTTCTTGAGCCAGGATGCCATTGCTTGCCTTGGTTTCTTGGAGCCCA
GATCGCTGGCAATCTGTCTCTCCGTTGCAACAATTGGATGTGCGATGCGAGACCAAGACAAAGGATAATGT
GTTTCGTTAATGTGGTTGCCTCTATTCAATATCGAGCACTGGCAGATAAAGCAAACGATGCATTCTACAAGCTCA
GCAATACAAGGTCCCAGATCCAGGCTTATGTTTTGATGTGATCAGGGCAAGTGTTCCAAAGCTCAACTTGGGA
TGATGCTTTTGAGCAGAAAAATGATATTGCTAAAGCAGTAGAAGATGAACTGGAAAAGGCTATGTCGGCTTA
TGGCTTTGAGATTGTCCAAACCCTCATTGTTGATATAGAACCAGACGAGCATGTTAAGAGAGCAATGAATGAA
ATTAATGCTGCTGCTAGATTAAGGGTGGCAGCCAATGAGAAGGCAGAAAGCAGAGAAAAATTTACAGATTAAG
CGAGCTGAGGGTGAAGCTGAAGCCAAGTATTTGTCAGGTTTGGGTATTGCTCGGCAGCGTCAAGCAATTGTG
GATGGTTTAAGAGACAGCGTTTGGGATTTTCTGTTAATGTTCTGGGACGACGGCAAAGGATGTTATGGATA
TGGTGCTTGTGACCCAGTATTTTGACACCATGAAGGAAATTGGAGCTGCCTCTAAATCAACTTCTGTGTTTATA
CCTCATGGACCTGGAGCCGT

>trans_s_2480 Novel Gene

GAAACCCATTTCTCAGAATCTGCAAAAACCCGCCCATCATCCTCGCCCCCTTTTCGTGATAGGGCAACTTTTAA
CTTTTCTTCTAATGGAGGTTTCTCCTCGCTGTAAACTTGGATACCCATTTTCTTCAACCTTTGATTTTCTTTCG
GCGTTGTTCTTCTGGAATGTTGTGTTCTATGGGTAAAGGGCGTGTTCTGTCGATGAAGTTAGGACCGACCTC
CACTATTGTGTTCAAATCTACACCACGCCAATTTACTGAGTTTGAGATTCATGATGAAGGCAATTTGGAAGATT
ACCAAAATGTAGATGCTAGACTTTCAATATTAGAGTTGAAAATGGCCAATATGATTTCAATCTTGGAAACAAAA
CGGTTTCATGCAATCCAATAATCCGACTGCTAATACAAATGGAGATTTGCCATACTGTATATACAAAAATCCTG
GACGTGTTTGTAGCATGAGATTACAACCAGCTTCGACTCAAGTTTTAGATCTATCTCACATCGGAATATTCGC
AATGAGGCCCCGTATGGATCAAAATGTAGATACTAGACTTTCAATACTAGAGACTCAAATGACCAAGGTAGTCT
CGATCTTGCGACGAAACGGTCTCATGCAAGGCAACATATGAGCAGGGATCAACCACAAAAGTTTCAAGACAG
GAATGGGGAGTTAACACACAAATGATGCTCACATGTTTCATGAAGTCAACTCAGCATCATCTTTCATGATATTT
AGTCTTATGTAAGGGTGAAAACAATTTGAGTTCCTAACTTTAGGGGTAAATATTGGTATTTTGTAGTTTATTT
TCTTTTGGGATGACATCATGTATTAGAGTATCGTCTATTTTACCATTTTTGTGTTTGAATATCTCATAGATG
GTAGTATTA

>trans_s_2481 NM_104152 | *Arabidopsis thaliana* HTA9 (HISTONE H2A PROTEIN 9); DNA binding
(HTA9) mRNA, complete cds

ATCGAGAGAGAGAGAGGGGTTGTGGGCATTACTTTTATGTACCTCGCTTCCCGTCGTTCTTATCGGTTCTTTTC
CCTTTCTCTTCCAAACAATCTTCCAATACTCCTCCTTCTACTCCCACAGAAGAGGAACCCTATTTTCTTTTGCCTG
CAAAATGTCGGGGAAGGGAGCCAAGGGTCTGATAATGGGCAAATCTGCCGCAACAACAAGGACAAGGATA
AAAAGAAACCCGTCTCTCGCTCTTCCCGCGCTGGTCTCCAGTTTCCAGTAGGAAGGGTCCATCGGCAACTGAA
GTCGAGGGTTGCTGCCAATGGACGAGTCGGAGCTACAGCAGCTGTATATACAGCCGCAATCTTGGAGTACCT
GACTGCAGAAGTGTTGGAGCTGGCGGGGAATGCAAGCAAGGATCTGAAGGTGAAACGTATAACACCAAGGC
ATTTGCAGCTTGCAATCAGAGGAGACGAAGAGCTTGACACACTATTAAGGAACCATTGCTGGTGGAGGAG
TCATCCCTCACATCCACAAGTCACTCATTAACAAATCCTCCAAGGAATAGACTTTATCTGTTTTTTTATCTTCATC

TTACAGTTTAGTTGAGTGGTTGGTTGTCATATGCTCAGTCATGTCATTGTCTGGTCTAATTTAGTAGTGTCATAT
TATCAAATTCTACTTTTGTGATGATTACTTCTATCCATTGAGTAGTAGGGGAGGAGATAAGAAGATATTTCTC
GTTTTGTAAGTTTAAAGATGGTAAATCTTTTCAATTTTAGTAATTTCTGACTCTGGATTGCTTTGACACTGTCAA
ATTTACTTACCTGCCAATGTAATTGATGACTTCGCATTTATACTATTCTTCTCCCTCTGCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2482 NM_129838|Arabidopsis thaliana peroxisomal membrane 22 kDa family protein
(AT2G42770) mRNA, complete cds

AACCAAATATAGAAGGGGTCACGTTTATCGATTAAAGCTGCGATGGGTTAGCTTAGTACACGAAAAACACAT
GTGTTGCCGCTGCACAACAAAGCAGCCGACTCTTCTTACCTTTGACGGTTAAATAGTTTCCTCTGTCGTCAC
ATATTTGGTAGGCTCTCTCTCTTCCGGCATGGATGCTTTGAGCGGAGGCAATGGCGGACTCTGGGGCTGGAA
CTTCCTCCTCCTCATTCCAAATCTTCTCGTAACAACAAGAGAAGATCATTGAGCCCAAATCCTCTAATTCCTT
GGAAGCGACTGGTGGATCTGGTTTTCGTTTTCTATAAAGCAGTACGTGACTGCAGGCTGTCTCACTCTCTCCG
GCGACACTATTGCTCAGTTCTTTAGCCGATATCGTAAGGGAATCGCTTTGAATTCACCTTCTCTCTGATTCTG
CCTCTGCCGACAAGATGAACATATTTTGAACATGATTGGATTGGTCTTTGCGGATGGCTTCTTATGGATT
CTACTCTATGGTCCTGGATCCTTTCATGGTACAACATCTTGATCATGTTTTGCCTAAGAAATCGGTGGAGAA
TCTTATTCTTAAGGTTATCTTGAACCAAATTGTTCTTGGTCCAGCAGTTATTGGTGTTGATTTGCATGGAACAG
TCTCTGGCTAGGAAAACCTCTCCAGCTTCCTGAAATGTACCGAAAAGATGCTCTTCTACATTGTCTTATGGGG
TTAGGTTCTGGATTCTGTGACATATTGAATTTTGGGTCGTACCACTCCAAGGTCGGGTGGCATTCTATGCT
GTGGCCTCTATATTTTGAACCTTCTATTTGTCTTCAACCATGAGCAAGTGACTCGATCTAGGAAAATTCTAAGC
TCCATGTGCA

>trans_s_2483 FJ462142|Glycine max DEAD-box RNA helicase (SLI248) mRNA, complete cds

TGGTTGTAGGTTTCAAGAGGATTTGGCTGCCAACCATGATGTCATGCAAATAGTTGAGGTCTTGGATGATCGATT
ACGTGATGATCGTTTAGGGGCTCTGCTTAAAAATACCATAAATCCCAAAGGAACAGAGTATTAGTTTTGTCT
TGTACAAGAATGAGGCTGCTCGGGTTGAAAGAATGCTTCAGAGAAGGGGTTGGAAGGCTGTTTCTGTACACG
GTGACAAAGCACAACTGAACGCACAAAAGCATTATCATTATTTAAAAGTGGTAGCTATCCGTTAATGATAGC
TACTGATGTAGCAGCTCGAGGTTTGGATATTCCAGATGTAGAAGTAGTAATTAACATAGTTTTCTCTTACAA
CGGAAGATCATGTCCATAGAATTGGAAGGACTGGACGGGCGGGTAAGAAGGCTGTTGCTCATACATTCTTCA
TGCAGCAAAACAAGGGACTTGCTGGGGAGCTGGTAAATGTTCTCCGAGAAGCTAAGCAAGTTGTACCTGATG
CGCTTTTGAAATTTGGTACTCATGTGAAGAAAAAGGAATCAAAGCTCTATGGAGCCCACTTTAAGGAAATTAC
GGCAGATGCCCCCAAGTCCAAGAAAATTACATTCAACGATTCTGACGATGAATAATACTTCTAACTAAATTCTC
CCAATTTTTTTCCAGGTCCAAAAGCAAGTAAATGCTTCGTTTTTGTAAAGATGTTTAAATTCATAATAGGAACC
ATGTATTTTCTTCTATTCAATTTGTTCTGTGAGCTCATTAAATGATTGATCAACGAGGATTGAGAAAAGAC
ACTTATCAATTTGCAAAGCAATATTATCACATTGCAAAATGGTGTGCTATTGTGCAAGTTTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2484 NM_115038|Arabidopsis thaliana ATG1 (ARABIDOPSIS TRANSMEMBRANE PROTEIN
G1P-RELATED 1) (ATG1) mRNA, complete cds

AATTCAACGTTTTACAAAAGAAGAAGAAAATTTCTCCGGTCTCTTCTCCACATTGTCCCATTTGCTCCTCTCG
CCGGTCTTTGATTTTGATTCTCCGAATCCTTACCAAACCCCTAAACCCTTTCAAACCCAAATCCAAATCTGTTT
TCAACCTTCAATCAGTTCTCCAATGGCTACAAATCTTGCTTTCCGACTCCGATCACGTCTCCTTTTGCAGTCCTCA
TCTCGTTTCCGCACCACTTTTCATCAAATCCAATCCCCCACATCCCCAACCTTCCCTCTCATCTCTCTGCACT
TTCCGATCTTCGTGAATACCCGATAACCCCATCTTCAATCTCTCTGGATATCGCTTCTTCTCAACTGCCCCGGCG

GAATCTGACCCGTCCTCAAGCACGTCGACATCGGAGCTCGTGCCAGGCAACTCCAGACGCGGCGGCTCTGGAC
CTACGCTCTGACTTTCAGCTGCATCGCGGGATTCTGTCGTCATCGTTCTCAGTAATTTTCAAGAGCATCTGATGTT
CTATGTGACACCCACCGATGCGCAGGAGAAATTTCTCTGCGAATCCCGCAAAGAACAAGTTTCGTCTCGGTGGT
TTGGTACTTGAAGGCAGTGTAACGCATCCAGCATCGTCTTCTCAGATGGAGTTCGTGATAACGGATTTGATTA
CTGATATGTTGGTTCGACATCAAGGGTCGCTGCCGAATTTGTTTAGAGAGGGGCATTTCGGTGGTGGTGAAG
GTTTCCTTAAGCCATTTACCGATGAGATAAGGAATGAGATCTCTACGAAGAGTGTTTCGGAAAAAGCGAGAA
GTGAGAAATATTATTTTTCGGCTATTGAGGTTTTGGCAAAGCATGATGAGAAGTATATGCCGGCGGAGGTTG
GGCGGCAAT

>trans_s_2485 EU866498|Pseudotsuga menziesii isolate 32-4 locus Pm_CL795Contig1 WD-40
repeat family protein gene, partial cds

CATAAGGAATACGTCCAAGTCCTTAGCAGTACTCAAGGGAAGAATGGGAGCAATCAGGTGTGTGAAATTCAG
CTCCGACGGTAAATTTCTTATCAACAGCGGAGCCTGCAGATTTTCGTCCATATTTACGAAAGTCGCACAGGTTACA
AACAAGCACAGAAGAAATTGATCTGTTTGGTGAAATTGCCGGAATATCCTTCAGTCCGGACACGGAAGCTCTATT
CATTGGTGTGCTGATCGAACCTATGGTAGCGTATTAGAGTTCAACAAACGTCATCATAATAAGTACATAGATT
CCATCTTCTAGACAAGTGAGAAGAATGGTTAAACAATGGTCCAAAGTGAAGCAAAAAGAAGAAGCAGATGCT
GCTGACCGATTGATTGATGGAATTTGTATATAAGAAAAGAATTATGTATTTGGTTCCTTTTCCAGTTTTTGTGTT
CAAGTGTTTTAAGAGTCGAATGTAGCAAAGCGAGCAGCAGATTTTGGTTGATGAATGATGAATGATGTCTACA
GAAATCGAAGAGTAAAGAAGCAGACACCATAACCATTACAAGGTCTCTATTATGTACAATTGAATTGGTTTTT
GAAGGTTATCTTCATCAAGGTGGTGGAAGAGTAGAAAGAAAAAAGGAGAGGTCTGCCTGAAGTTTTCTTT
TTTAGTAAATACTTTGGGTGGTTGGGTGTGCATCGCATTTTCTGACCTCCTTCCTCATGTTGCTGTCTTTGTGT
CATGTTGGGCGTTGGAATGAATATGGTCAGTCCATTTTGAACAGATTGGTTCCATTCATTTCTTACATAT
ATGTATATTTATTTCAATTTGTACAGAATATTTCAATTAGTCTTTTCTTTCTTATCTGACATGATATTTTC
TCCCCTGTTCTGA

>trans_s_2486 XM_002879454|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At2g34460/T31E10.20, mRNA

GCGGCTGTAGAGCGGTGGGAGAGAGATCCGTGGCTCCGCAATGGCCTCTCTTTTCTTCCCAACGCCATCACT
TCTTCCTTCTCCAAATTCAACTCTCAACGTCTCCATTTTGTCTCTCTGCAATTCCTTTCTCTCCCTTCTCTTCTCC
TCCAACAGATTCTCCTCCATTTCCATTCTCAACTCCAACAAGATGGAAGGAAATGAAATTACGGAAGAAGTTGC
ACAGACACAAAGCGAGGAGAATTGCAATGTAAAGAGGAAGATTTTTGTGGCCGGTGCATCGGGTAGTACTG
GAAAAAAGATTGTGGAGCAGTTGTTAGCAAGGGGATTTGCAGTCAAGGCCGGGGTTTCGAGATGTAAGCAAG
GCTAAACTACTCTTTCCCAGCCAATCCTGCTCTTCAAATTGTCAGAGCGGATGTGACTGAAGGCTCGGCAAA
GTTGGCAGAGGCCATAGGTTCTGATTCTGAAGCAGTAATTTGTGCTACGGGCTTTTCGCCGAGGATGGGATTTA
TTTGACCATGGAAGGTTGACAATTTGGGCACTGTAAACCTAGTTGAAGCATGCCGTGGTTTAGGCATAAACA
GATTTATTCTGATCAGTTCCATTTTAGTCAATGGAGCTGCAATGGGACAAATTCTCAACCCAGCTTATATCATTT
TAAATGCATTGGGGCTCGTCTTGATTGCAAAGCTTCAAGCAGAGAAGCACATCAGGAATTCGGGTATTAATTA
CACAATAATAAGGCCTGGAGGTTTGAAAAATGAGCCTCCCACCGGAACTTAGTCATGACACCAGAAGATACT
CTTTATGAAGGAAACAAAACAAGAGATTTAGTTGCAGAAATAGCGGTTGAGGCATTGCTTCATTCTCAAGCCT
CTTAACAAGGTGTCGAA

>trans_s_2487 CT028457|Poplar cDNA sequences

CTGGGTTTCATTGGTGCTTGTTTTAACGTTGCATGGGCGCTATGGGTTTACTTAGTGGTGATGTTGTTTCTAATA
GCTACGCTTATGGGATTGACGATATTTGGGTTTATAGTGACGGCAGCGGGGGAGGAGTGAGGCACCGGG
TGGGAGGGTGTATAGAGAGTATCATTTGGAACAATACTCACCTTGGTTGAGGAAGAGAATTAAGGATCCAAG

GTATTGGCTAACCATTAGGAGTTGTCTTTGGGTTCTAAGACTTGTGCTCAACTTGCTTCTTGGACTCCTCTTGA
TTATCTTCAAAGAGATATGTCCCAATTCAGTCAGGTTGTTGCAAGCCTCCAACGGCATGCAACTACGACATGA
TGGCAGCAGGAGCCATGGTGTCTCAGGATCCGGGTTGCTATCGATGGAACAATGCCCTACCTTGTTTTGCTA
CGAGTGTGACTCCTGTAAAGCAGGTGTCCTTGAGAACGTTGGAAGAGACTGGCATAAGCTCTCCGTTCTCAAC
GTCGTTGTCGTCATCTACTCATCGGTGTCTACTGCGTTGGTTGTTGCGCCTTCGCAACACAAAGAGGGGCTGA
GACTGACTACCCTTATGGTCATAATCAGATGACCAAAGTTCGACCAAGATGGGACTACTACTGGTGGAGATGG
TTGCATGACAAGAGAGAACAACCTTTATTAACAGACAAATATTCCATCCTCCATTTCCAATTGTTCCCTTTCACTT
TTCTTCTTGTTGAGAACATCAAAGAGTGGTCTCAAATTTCCCTTTTCACTTATGCTCTTCTCTTCTCCCTCCTT
GTTTTGTATAGACTTTTTTTTCCCATCTATATAAGTAATTTGAAATTCGAATTTTGAAAGTACTTACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_2488 AY106629|Zea mays PCO088446 mRNA sequence

GAGGCTTTCCATTTTTAAATTCAGGCTCAAAAACCTCTCCACTGTCTTAGCCTAGAAGGGTTTCTCTCGATTCTC
TTCGACATCCCTCCGATCAATACTCTCCTTCTCCCAAGATGAGTAGTCGTAATCCGGAGGTTCTATGGGCT
CAGCGTTCGGATAGGGTTTATCTGACCGTTTCTTACCGGATGCCAAAGATATTTCTGTCAAGTGTGAACCTCA
TGGGTTATTTAGCTTCTCTGCAAAGGGGTTGCAAGGTTTCATTTTTGACTTCACCTTGGAGCTCTTGGCTCCAT
TGTGCCGGAGGGCTGTAAACTAAGGTTAGCTTGAGGAACATAATTTGCTCCATCAAAAAGAACAAAAAGG
TTGGTGAAAAGGCTCTTGAAAACAGAAGAAAAACCTGCTCCATACTTGAAGGTTGACTGGAACAAATGGTG
TGATGAAGACGAGTCAGACTCCGCTTTGACTTCTGATGACGAACTGAATATATGGGCCAAGATGATGGAAG
CGTTGAGGATGGAGGAATGCTCTATCTACCAGACTTAGAAAAGGCAAGAGGAACTAGGATAGACGGCTGT
AAATAGCCAACAACCTGAAGGTGAAGTTTGTATAGTAATAGCCTAGAACAATTGATTGCTTCTTCTGATTGAGT
TCTGTATCAAATCTGATTGGTGCTGATAAAGCTGTCTAACTTGGTATTTTTAAGCTGCACTTATACATTTGTAT
GCTCTCTATTTGCTGATTTTGACGCTCATGTTTCATCAATTTCTCCTTTCGTTTTTCAAATATTCATGAACCTT
CCTTTACATTTTAACTTGAAATGGTGTCTGTATTTCTGCTATGGTGTTCACAGCATATGATACCAATATT
GGTAGATGT

>trans_s_2489 NM_001070544|Oryza sativa Japonica Group Os10g0100500 (Os10g0100500)
mRNA, complete cds

AACTGCAATTCTACAGTGCAAGGATTATGTCCCCAGAAATCGTCGAGATTGGAGACGAAAGTAAGACGATTAT
CAGTAGCAGAGACGGCGGTGCAACCGATGTTTACGTTGCCGTCGGTAAAGATGATATAGATGTGCTTAAATG
GGTCCTTGATCATGCTGTCTCACCCGGTTGTTGTGTCTTTCTTCTCCATGTTTTCCCTCCTCTCACCTACATCCCC
ACACCAGTTGGAAGATTAGCAAAAAGCCAATTGAGCCAAGAACAATTGAGAGTGTATATCAATGAAGAAAAC
AACAGAAGGAGAAATCTACTGCAAAAATACATCCGCTTATGCACTGATGCCAAGGTGACAGTGGACACATTG
CTTCTGGAGGGCAACACGACAGCCAAAGCAATCCTTCAACTAATTCCAGTGCTCAATATCACCAATTTGGTCAT
AGGGACCAAAAAGCCACTTTCCACAAAGCTACTGGGAAAAAGAATGACAAAAGGAGAGTTTGTGAAAAAGA
ATGCACCAGAATATTGCGAGGTTACCATGTTTATGAAGGGAAGAAAGTGAACGAGTGTCAACAGGAAATGG
GGTTGCTTCCTTCTTCTAAAGTTTCTGATCTTCGACAGCGGCGTCCGGGAAGAACTGTTTGAGTGTGTTTGC
TTGTCGAGCAAGTCGAGTTGCGATTAACAGGTTGTAGGTCCTGTTAAGGCAATGAAGAACACAACAAAGAAG
AGGATCACCACCAATTTTACTTTAATTTTGGCTTTGTTTGTATAAATCAATTGACATTGTGATGAAGAAGGCTA
AAAAGAATCCCAAATGAGCTAGCTTTAAGTGCAAAAAAATAAAAAAATAAAAAAATAAAAAATAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2490 NM_100375|Arabidopsis thaliana lipid-binding serum glycoprotein family protein
(AT1G04970) mRNA, complete cds

AGTGGCAACAGAGGCATTTGTTCCAACCTGCCCTCGCTACCTTTTCATCTGATTTTCTCTCATGCTTCTCCATG
CTCAAATTCTCTATGGCTCCAATACTTTTCTCCTGCTTTTGGTGTCTTCGCTCATCCCGGGAGATGCTTATTCTT
CACCGACCCAATCCTTCGCATCTGCGGTTATATTCCAAAAGGGTCTTGATTTTCTCAAAGACTTGTTCAAGACA
AGGCAATTTCTTCTTTGATTCCGATTCATTTGCCTCAATCCAAAAAACCGTCAAAATCCCATTTGTTGGAAACG
TTCATATGGTGTATCCAACACTACCATATACCAAGTCGATGTACCTTCATCGAATGTCAAACCTGGTGAGTCG
GGTGTCTTCTATTGTTGCTTCAGGAACCTACCTGCGACTTGAGCATGGATTGGCGTTATTCCTATAGTACTTGGCT
TGTTCCAGCGGAAATTTCTGATAAAGGACAGGCTTCTGTTTCAGGTCAATGGTATGGAAGTTTCGACTTACTTTA
GGATTGGAGCTTCAATAAGAAACGCTAAAACTATTTCTTCTTGGGTGCGGTTGTTCTGTCCAAGATATATCTAT
AAAGTTGGATGGAGGAGCATCTTGGCTTTATCAAGGGCAAATTTTATGAAATGGAGTATGAATAAAGTGCCC
AACCAGCTGCTTCTAAACACTGCTGGATGGAGATTTGTTGTTCCCAACTTTACAAGAAATATCCTAATGCTGA
CATGACCTTGAATATCTTTTTACCTTGTCCACCAGTCGTAAGCATCTCAGAGCACCATATTGTTGCAACCACGAA
CGTAGACATGATAATTGATGTAGTAGAAGGAGGTGATCAAATACCAGTCGCTTGCATCTCACTATTGGGTCAT
GCCTC

>trans_s_2491 X69731 |C.laevigatus chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase
and promoter region

GATTTAAAAATAGCTTCGNCACAAAAATCCTTTGCCACTCTCCAACGCATAAATGGTTGGGAATTCACGTTTTTC
ATCATCTTTGGTAAAATCAAGTCCACCACGTAGACATTCTAAACTGCTCTACCATAATTCTTAGCGGATAATCC
CAATTTTGGTTTAAATAGTACATCCCAATAGAGGGCGACCATACTTGTTCAATTTATCTCTTTCAACCTGGATACC
ATGAGGTGGGCCTTGGAAGTTTTAATATAAGCGGTAGGGATTTCGCAAATCCTCCAGACGTAGAGCACGTAG
AGCCTTGAATCCAAATACATTACCCACAATGGAAGTAAACATGTTAGTAACAGAACCTTCTTCAAAAAGGTCTA
GGGATAAGCTACATAAGCAATATATTGATTTTCTTCTCCAGCAACAGGCTCGATTCCATAGCATCGTCCTTTG
TAACGATCAAGACTGGTAAGCCCATCGGTCCACACAGTTGTCCATGTACCAGTAGAAGATTACAGCAGCTACAG
CTGCCCCTGCTTCTCAGGTGGAACCTCCGGTTGAGGAGTTACTCGGAATGCTGCCAAGATATCAGTATCTTTG
GTTTCATATTCAGGAGTATAATAAGTCAATTTATAATCTTTAACACCAGCTTTGAATCCAACACTTGCTTTAGTC
TCTGTTTGTGGTGACATAAGTCCCTCCCTACAACCTCATGAATTAAGAATTCTCGCAACAACAAGGTCTACTCGA
CATGAATTAGTAGTTAATGAAACCTTTTATAGGAATCCTTTCACAAAATTCTCAACTAATATTATCAACTAATCA
GAATGGTTCGTTATTCCGAACCCCGCATCCGGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGC
CAACA

>trans_s_2492 AB125976 |Cucumis melo CMe-ERF2 mRNA for ERF-like protein, complete cds

ATCCATCATTCTACATATCCTCTCGTCTTCATTTCTCTAAAATCCCCAATTCTCTAATCATGTGTGGCGGCGCCA
TTATCGCCGACTTAATCCCTCGCCGTGACGGCCAACGCGTTACCGCTTCCGACATTTGGCCTAACTCCTCTTCT
TCCATTTCAACAAAATTCGCTCCGATCAAGTTTCAACTCCCCTCAAACGAACCCCCCTCCCGCCTCTTCCGAGG
CTTCGAAGCCCAAGAAGAGGCAGAGGAAGAATCTTTACAGAGGAATTCGTCAGCGCCCGTGGGGAAAATGG
GCGGCTGAGATTCTGACCCCAGGAAGGGGATCCGTGTCTGGCTTGGGACTTTCAATACTGCTGAGGAAGCC
GCTCGAGCTTACGATCGAGAAGCTCGCAAGATTCGTGGAAAGAAAGCTAAGGTCAATTTCCCTAATGAAGAT
GATGCATATTCCATTCAAGCTCCCATTCTCAATTTACCCTCATCTTTACACTGTCCCTGAGAATTCCGAATTCC
CCTACGATCTCAACCAATCGGTGATTTACCGGCACTCACTTTCCCGTGGCGATTGAGGAACAATCCGGCTCT
GGGTGCGAGGATTCTTATTCTCCACCGAAAAGATTCGGTGTGAAAGAGGCTGAAGATCAGAAGCCGGAGCA
GAAGGTTAGCGTTATTGCCGCGGCGGAGGAAGAGAACGAGGTGCAAAAAGCTTTCTGAGGAATAATGGCGT
ATGAGAACTACATGAAGTTCTACCAAATTCCATACCTCGACGGTCAATCGACGGTGACGAATCCGGCTGAAGA
ACAAGTGGTGGGCGATCTCTGGAGCTTCGACGACGAGGAAGGGCTTACGGCTCTGTTTCGTCTGTCTGAATT
ATGATGATTGATGATC

>trans_s_2493 NM_117652|Arabidopsis thaliana integral membrane family protein (AT4G15610)
mRNA, complete cds

TAATTACATCCATCTAATTTCTTTCCAACTAATTATTAGTTTCCTTCCCTTTCCCTCTCTTGTTTTCTTTCCCAT
AATGGCCTCAGCCGAGCCGGAGTCTGCTAAGGAGGCGCCGCCGCCGCTTCTACCGCTGCTCGTGGTGG
AGTGAACCTTGTCTAGTCGGAGTCGTGTTGAGATTTGTAGTTTTCGCGGCGGCAGTGTGAGTATGGTGGTC
ATGGTCACCAAGTAAACAAACCGTCGTCAATAAACTCCGGGGTGTCCCGCCGGGCATCCCTGTCCAAGCCAAGT
TCGACCATTCCCCTGCTTTCAGTTATTTTCGTAGCCGCGTTATCGTTGACGGCGTCTTACAGTCTGACTACCGGCC
TCGCCTCTGTTTTGGTCATCGCTAAACCGAATTGCTCTACCAAGTGCTTGCTTCATTACGCCATTTTTGATACGT
TGATATTGGGGGTAGTAGCCTCAGCCACAGGAGCTGCAGGTGGAGTCGCATACATAGGCTTAAAGGGAAC
AAACATGTTCAATGGGACAAAGTGTGCTACGCCTTCGATAAATTCTGCCGCCATATAGGCGGCGCTTTAGCTA
CCTCCCTTTTCGCCTCCGTTGTTATGGTGTTCCCTCATTTGGATATCTATTATCTCTCTCCATGCGCGGATTGCGAA
GTAGCATGCAGCCTTGACGCCTTCACGCCCTCCTCCTTTTTAGGCCCTTTGTTACCGCTCGTGTGTTGCTGCT
TTAGGATTTTACTTGTAATGTTTGGTGTTTGTCTGGTTTCACCAATTTCTAAATAGGTTTGTTCCTAAAGA
AAGCTAAATTTTAAGTTTTGAATTTAAAGTAATTTGTTGTTCTGTAGGGGATGTATTTGAAGTAAGAATTTAT
GC

>trans_s_2494 NM_202445|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding (AT1G79110)
mRNA, complete cds

TTGAGAAGATATCTCTAAGTCACAAGAAAAGCAAAGAAGAAACGAAACCAACTCAACAAGAAAATTTTCATG
GCAGTTGAAGCACGGCCTATGAATCTTCTACCTTCTCATCAGTTCATCATCCCCAACACAGAGATTTTCATCA
ACAGAATCAAGAATTAGCAAGCACCCACATGACACCTACCACGGACACCACCACCCAGGAATAATATGGCCT
TACACGGCCGTCAAACCAGCGTTACACCGGAGGCGACTCTCAATAACTTCGCCACTACTATGTACGATTGGG
GAAAAGCAGAGAGTGGACTTACATCCAATAACTTCCCATTAAACCGTCCCACCCGAAAGAGAACGAGATCGC
GTTCTTTTACGATGAACCGGGGGGGAGGTTGTTGGATGAAGAAATCATAAACTCCACATTCAGCAACAACA
GAGTGAAATGGATCGGTTTCATTGCAATCCATAGGGAGAAGATGAGGAGGGCGGTGCCGGAAGTGTGGGGC
GGGGGAATCGAGGGTGTGGTGTTGCCATGCAGGCATCTTTGTTTGTGTACAATGTGTGGGTCCACAATTCAC
AGTTGCCCAGTATGTAATTCTGCCATTAATGCCAGCGTCCATGTAAATTTTCTTGAATCCATACCCAACAACAC
AAACAAACAAACATAATTCTTTTCTTTTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACGGCCCCCCCCCCCCA
AAAAAGTTTACCAAACCCCCACACCCCCGGGGGCCGCCGAAACCCATTTCCCCCAAAGGAGAGCCCAAACAC
CCCCGCCCTCGCCGGCGTT

>trans_s_2495 XM_002306315|Populus trichocarpa stress enhanced protein 2 (Lil5_1), mRNA

ACCTCTTACGTGTACGCAAAGTCCGTTTTCTTTCTTTTCACTATTCAATTCTTCCAAATATTTCTCTCCAA
TCTGCTTCCATGGCTGCGCCGCCGCTCCGTTCACTATCAATTCCGCTCCTCCTTGCCCGACGTTCCCCACGA
TCGCCGTCTTTCCGTTTCCCTTCCCAAACCTAAGCCTGCCGATTCGGAAACTACCCCAAAGATCGTTCTGCAG
CCTCGTTTATGCACTCTCAGATCCTTCGGATCCGATCCGCTCGTTCTATCAAGACTAAGAGAGTATCTACTCGA
GACGATGCTTCAAACGACGAAGTTTCTCCGTTCTTCGTGACTCTGTGCGAGTACATCGAGAGTTCGAAGGATA
GCCATGAATTCGAGATCATCTCCGGCCGCCTCGCTATGATTGTGTTTGCGGCGACTGTAACAATGGAGGTAGT
CACCGGAAATTCAGTATTCAGAAAGATGGATCTGGAAGGGATTGAGGAAGCATTAGGAGTATGTTTGGGGG
CCGTTACCCTGGCGGCCATTTTCGCTTCTCCTCCAACGCTCGAAACAGAGTAGGTGCAATCTTCAGCATCAGC
TGCAATACCTTCATCGATTGCTTATTGATCAGATCGTCGACGGTCTTTTCTACGAAAACGACACCGGCGATTG
GTCCGACGACACTCGAATGCTCCGGCGTTGGAAACAGAGAGGTAAGTAATTTGTGTATATAAATTATTAATA
CAAGTGGAATTGAAATACATTCAATTCAACGGTGTAAGTAATTTATGCATACGTATATAGATGAACTTCATCTG

AATTGAGAAAGAATCTGAAATAGCTAAAGGGTTGAGTAATTTTGATTATGTTTTGTTATTCTAAGCCCCACTAT
TTCATG

>trans_s_2496 BT015913|Arabidopsis thaliana At4g25690 gene, complete cds

AATTACGAGGATATATATAATACTTACAACCTAGTTCTTTGAAAAAAGAGATTGAAAAGATTAGTTAGATATGG
CTAGTTTTGTGGCTAGTATGGGTAATAAAGTACAACCTATGGTGAAGAAAGCAAAAAAGAAGCAGGTGAAGG
ATGAGTTGGATCGTCAGAAACAAGCCGAAAAGAAAAAAGGCGATTAGAAAAAGCCCTTGCCACTTCAGCAG
CTATTATATCTGAACTTGAAAAGAAAAACAAATGAAGAAGGAAGAGCAACAAAGGCTAGATGAAGAAGGT
GCTGCCATTGCTGAAGCTGTTGCTTTCATGTCCTGATTGGTGAAGATTCGGATGACTCATACAAGATTCTCT
TAAGAACGATGGTCTCAACCCTTGGGATTGCCCTGGGCAGCTCGACCACGTAATGAATGTTACAAGACCTGGC
ATACCAAGTGCAGGAGTTTTGGAGATGTTCCGTTGAAGGGACCGGTTGGACCTCTAATATCGATAGATTTGAAT
CAATGTGGCATGGTTTTAGGAATGACTACTGGTCAGTTTCAGCTGGACCGTACGCTGAAGATCACCGCACATT
ATGTTTTGAGCAGGTTGACAGTGCTGTTAGCGAGATTTCTGCTGGTATTATTGCGGCACAGGCTGTCTCATCAC
TTCAGATAACAGTAGATGGGGATGAAGAAATCAACGTCCCTAACCGAATGCGAAGGAGTATGTAATTTACTCC
AAACCATTTGAAATGGTAGTAGTTCCGTTGGTACATGTTTTGCAGAATTGTTGCCTCTTCATTGTGACCTGA
ATCCTGCTGTTTACCCGGGAAATTTGTCTGTTTTGTGGGATGTTGTAAGTTATCTGTACCCAGAGTCGTTCTT
ATAGACCGTAAGCTTTT

>trans_s_2497 AY727482|Prunus nigra PsbZ (psbZ) gene, complete cds; and tRNA-Gly (trnG) gene,
complete sequence; chloroplast

TTTGGAGGAGAGAGAGGGATTCTGAACCCTCGATAGTTCTTTGTTGATCCCTAACCCGGTTTTCAAGACCGGAG
CTATCAACCACTCGGCCATCTCTCCGAAAGATAATTTCTATTTTATTTATATTCCATCCCATCGAATAGAAGATT
GACATATAAGTTGCTACCATTACGATCTATACTATAGACAAATATAAGGCGTGAATCTATAAGTCGTATCTCTA
TACATATAGATATATATGATCCAGTATACCCCTTTTTGTGAAGTAAAAAAGACTACCCCGCAATCCCATGCAT
GCTAAAGTATTAAAAAAGTAAGAAGTAATATAGAATCAATGGATTTATGGTAAAATCCCTCCCTGATACATTTT
ATCAAAATTTTGCTGGCTGGTAAAGGGATCAAATGGTATATTTTGTGGTAGATTGGAGGATTAGAAACATG
ACTATTGCTTTCCAATTGGCTGTTTTGCATTAATTGTTACTTCATCAATCTTACTGATTAGTGTGCCCCGTTGTAT
TTGCTTCTCCTGAAGGTTGGTCGGGTAACAAAAATGTTGTATTTTCCGGTACATCATTATGGATTGGATTAGTC
TTTCTGGTGGGTATCCTTAATTCTCTTATCTCTTGAACCTCTTCGTTCTCGATACAAAAATGAAACGACCCCTCCC
CTAATCTTTTGAATTGTGAGAGACATTAAAATACAATATAAGTCCTAAAAATGAAAAATGCAAATAAAGAAA
AAAATTTAGAGGGAGGGGGTCTCTTTCTTGTATTGTCAAAATTGAATATATCTCACATAATTCATATAAAAAATA
ATATATTTGAAAGTATATAATAACTTAGATATTGATAATAGAGAACTATATATTATGTAAAAATAGTACTT
GGCGC

>trans_s_2498 AY106847|Zea mays PCO123425 mRNA sequence

CTGTGATTCTTTTGTGAAGCGACGATGTGGGCAAGCGCCGAAGGAGGGCCGCGGAGGTAACCTCTGGAGACT
TCCATGGGTCTTTCACTGTTGAGCTTTACTTCAAACACGCACCGAGAACATGTAGAACTTCATCGAGCTTTC
CCGGCGAGGTTATTATGACAATGTCAAATCCACCGGATTATTAAGGATTTTATAGTGCAAGGTGGAGATCCC
ACAGGAACTGGACGGGGTGGGAATCTATTTATGGCAAGAAGTTTGAGGATGAAATAAAACCAGAGTTGAA
GCATACTGGAGCTGGCATTCTATCTATGGCAAATGCTGGTCCTGATACAAATGGAAGCCAATTCTTTATAACTC
TTGCTCCTTGCCCATCTTTAGATGGAAAGCACTCCATCTTTGGAAGAGTTTGTAGGGGAATGGAAATTATCAAA
AGGCTTGGCAGTGACAACTGATAACAATGATAGACCCATCCATGATGTGAAAATACTGCGGGCATCAGTTA
AAGACTAAAGCTTTTCAGTTATTGACTTTTGACACACTCGTTGTTGTATCTCAACACTGTATGCAGCAATAAAA
ACCACGTTGTGTGTTTCATGACAGAAGGAAGGAAAGGAAAAGAAAATTTCCATGTTAGTTAGGCGAAGAAA

GAGGAGGGAAAAAGGAGCTTTCAATCTCATAAACGGTGTCTAATTCTAAATTCATAAATACTTAGCATTGGA
CTGACTTCTCCTTTTATAACAAATATGAGATTGAGGGTCTTCCAAATTCACATGTCTCAGGTCCTTGTCTTCACT
ATTCATGTCTGAATTTCTCGGTACGAGAAATCTTCTGAAATTGGAATTGAAACAGAGCTTTGGGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2499 EU591516|Nicotiana sp. variant 'Rastroensis' pollen-specific C2 domain containing
protein mRNA, complete cds

TTGAAATTAATAAAAAAAAAAATTAATTAATTTAATTATTTGGTGTGTATATATAAATAGGAGGGAGTAGAAGACCA
TGCCGGACACACCTACATCGCCAAAGAGCGGTGGCCGGCTGTCTGCTAATGGAGAATCTGCTCGGGCTTCTCC
GTATTCGTATCATTCTGTGGTGTCAATCTCGCTGTTCTGTATGTTTCGCAGTAGCGATCCTTATGTCGTCGTCAAG
ATGGGAAAGCAAAAATTAAGACACGGGTGATAAAGAAGGATGTCAATCCTGTATGGAATGAAGATCTAACT
CTCTCTGTTAGTGACCCGAACCTTCCCATTAATACTGACGGTTACGATCACGACACATTTAGCAAGGATGATAA
AATGGGGTACGCCGAGTTTCGATATCAAAGCATTATGGAAGCTCTGAAGATGAAGTGAAGAATCTTCCAGT
GGAACGACAATAACACGAATGCTACCAGCAAGGCAAACTGTCTAGCTGAAGAGAGCTGCGTCGTCTGGAAA
GATGGTAAAGTAGTCCAAGATATCTACCTTAGATTGAGAAATGTCGAATGCGGGGAAGTCGAGGTTCAATTG
CAGTGGATTAATCTTCCAAGCTCCAAAGGATAAAGGAGATTTGGTTTAATCAGCATCCCATGCTTAGCTAGA
GGTCACTGCTCATTCCACTTCTATCTTTTCAAATATATATATTTTGTATAGTGTTCCTTCTTAAG
ATCTTATGTATCTTAGTCAGTCCACTTAATACTTGCCTGTAGCATATGCATGTTGTGTAAGAATCAAAGTCTTGC
GCTTTGGCTCAGGTTTTTTATGGATCTCTTAAATAAATTTGTTTTTTGATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2500 BT002152|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g74730) mRNA, complete cds

AATGCTTGGCTGAAGCTGAAGAACACCAAAGCTTCCTTTCATCTTCAACAATGGCGGTGATCACTTCACATTCT
CCATCTTCTCCACTGCTTCTCTCTCTCACCTTCCCAACCGTTTCTCCATTTCAGAATCCACCACATCTCTAACCA
TCCCCGTCGTCCCTTCTCTTCCAGATCCAATCCACTCACCATCGTCGCCATGGCCCCCTCAGAAGAAGGTACA
CTGCAACTCTTTCTAATTTCTCTTTCGGTCGATCATCGCTAGTGGCTGATAAAAAAAAAAATGGAAATTGATGGA
TTCAGGTGAACAAATATGACGATGCTTGGGAGAGGAAATGGTTTGGAGCTGGAATTTTTTACGAGAGTGC GG
AGGATGTGGAAGTGGATGTGTTCAAGAAGCTTGAGACTAAGTAAGTTCTTAGCAATGTTGAAAAAGCAGGGT
TGTTATCGAAGGCGGAGGAATTAGGGGTTACGCTTCTTCCATTGAGAAATTGGGGGTTTTCTCTAAAGCTGA
AGAATTAGGGCTTCTTAGCTTGCTCGGGAAAGTTGCGAGTTCTTCCCTCCGCTTTGGCTTCTTGCCTGCTGCC
CATTTTGGTTGCGGCGCTGGTGGCGATTGTTGTAATCCCGATGATTCGGTGGCCCTTGTGGCGTTGCAGGCG
GTGGTCGGCGGTGGATTGGCGCTGGGGCTGCCGGATTGTTAGTTGGATCTGTGGTGTGGGTGGGCTGCAA
GAAGCTGATTGAAGATGGTGTGTGTAGGTAAATTGAATACTCCTTTTGATAATAGTTTTAGTTGTCTTTTTGT
GTAATTATGAAAATTATTATGGTGTTAATTAAGTGAGTTTTTTATAATATGGATTAGTAAACAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_2501 BT024494|Arabidopsis thaliana At5g40550 mRNA, complete cds

ATGAAGTGAGTGTTCACGACCTTATTGGGGCAACTTGAAACCTTGCTGCCCCGACCTGTGCAACAAAGGAG
AAAGATAGATAAGAAAAGAATGAAGGCAGATTGAGACAATGCTCGTAGTTCACCTGCAATGAGAAACCTCGA
GGCTTGTGCTAACATGAAAGATGAACAGGTGGCAGCCAGGGTGACACCAGATGGGGCTGAGAAGGACGAAT
GGTTTATTGTAAAAGTGATACATTTTGATAAGGAGACAAAATTTGAAGTACTAGATGAGGAGCCAGGCG
ATGAAGATGAAGGTGGAGGGCAAAGAAAATACAAGTTGCCAATGTCGGCCATCATATCTTTTCCAAAACGAA
ACGATCCTTCTACTGTCCCTGAATTCCTACCTGGAAGACGAGTCTTAGCAGTTTATCCAGGAACAACCGCTCTT
TATAGGACAACAGTTGTCAATAGTCATCGCAAGAGGAAGACAGACGACTACTTGTTGGAATTCGACGACGAC

GAGGAAGACGGGTCCTCGACATTGCCCCAGAGAACAGTACCCTTCCATAAGGTGGTGGCCTTGCCTGAAGGA
CTTCGCCAGTAAGCTCCCTGTGTTTATATTGTGAATAAAATATAAGGTCGTATGTAAATCGTAGACCAAAAAAG
AATCTACTTAATTTGTCTTTAAATTTGAGAGATGATAATGTGTATTGAGTACCTTCACACTTTGCCTTATTAAGC
TCTAACAAATGGTGAGGTAATCCCTGATACATAATTAATTATTGGTGTGATCCTTTTTAGTAGTTGAAGGAATC
CCAATAACATATGAATCATGTGTGGATGTTCTCTAAATTATAACAATAAACATCTGTTTTTCTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2502 XM_002314602|Populus trichocarpa actin related protein (ARP905), mRNA

AGGACGAACGCCTTCGCCATGGATTACCTGAAATCAGTTGTCCCTTCACAACCTATTGCCGAACGGGGTTCAA
ATTTAGTAGTCATAAACCCCTCGATCTGCAAATATTAGGATTGGCCTTGCATCACAGGATGCTCCTTTTAATGTTT
CCCATTGCATTGCTCGTTATACCAATCAAATCCCCAAGAGAAATGTTCAAGATCAGATGCTTAATTCACAAGTT
ACAACTGCACAGCACATGGAGCGGGAGAGGGCATATGATGTTATTGCCTCGTTGCTGAAAATACCGTTTCTGG
ATGAAGAGGTTGCTAACAGTTCTTCCCCCGTAAGATGGGGCGAGTTGATGGACATGGTATGCATAATGGCA
AAAAGGATACTGTCTTTAGTTGGACTGACGTACATGAGAGGAACCCTACTTCGCCAGTGGCAGTGGAAAGTTT
AAGCTCCAAGGATGTGAACCATGAGCCTTTGGACCAAGTGCCTAGATACTGATTCCAAGGAGCTTACTTCTAGT
GTAATCAAATATAAACAGTTTATTTGCGGTGAGGATGCTCTTAAATATCACCCAGTGAGCCATATTGCCTGCA
CCGTCTATTTCGAGAGGTCACCTGAATATCTCACAGCAATACCCTACTCAACAGGTACTTGAGGACTTGCATG
TTATTTGGGACTGGATTTTGATAGAAAAATTGCATATTCCTCATAGTGAAAGAACTTGATTCTGCTATTCTG
GTGGTCCCAGAAACATTTGACAACCGTGAAATAAAGGAAATGTTGACAATAGTATTGCGAGATTTGCGGTTTG
GTTCAGCAGTGGTTCATCAGGAAGGGCTTGCTGCAGTTTTTGGGGATGGACTATCATCAGCATGTTGTGTAA
CGTGGGAGCACAG

>trans_s_2503 EF051328|Gymnadenia conopsea multiprotein bridging factor 1-like mRNA,
complete sequence

AAGCTATCTAGACATTTTTATATCCTCCGATTAGAAACCTAATTCAGATTCTCCGTATTACCCACCCTGGAACA
TCTTTGAAACGCGAAAAGGTGACCCGAAGAACTTGAAATGGCTGGGATCGGACCACTTTCACAGGACTGGG
AACCGGTTGTCATCAGGAAGAAGGCCCCCAACGCCGCCGCAAAGAAGGATGAGAAAGCTGTTAATGCTGCAC
GCCGAGCCGGGGCGGAGATTGAAACCATAAAGAAATGTGACCTCTCTAACTTTTATCAATTATCCCGTTGTTTT
TCCTGTATAAGAAGCCCCAATCGCTGCTTTCTGTTTTCGTTTTGACTTTCAACTCTATTTATTCGTAAATTGGTA
ACAGTTTAGCGCGGTGGTGATGACAATCGAGGGTTTTAGGTTAGAAAGATACATCCATGTTTAATATCGGGG
GGCCATTTAGATTGATTTCTTTTTTCAACTGACCATCGCATTCTTTAATGGATCGAGTGGGCAATGATCATTG
GGACTTGTTGCTGGTCTTAAGTGGGCTATGGGTACCTGTTATTTCTTATATTCTGCGTATGTTTGTTA
CAAATGGGCATGAGTCTGTTTTATCCTGTGAAATTTAGTGTTGCAATGATACTTTTTTGGCCTTCTGCAGCTGC
TGCTGGGTCAAACAAATCTGCCTCTAGCAGTACTAGTTTGAATACTAGGAAGCTTGACGAAGAGACTGAGAAC
CTTTCTCATGATCGTGTCCCAACTGAGCTGAAGAAAACAATTATGCATGCTCGAACAGAGAAGAAGCTTACTC
AGTCTCAACTTTGCTCACTTATAATGAGAAGCCTCAAGTTATCCAGGAGTACTAATCTGGAAAAGCTATTCCGA
ATCACAAA

>trans_s_2504 BT025762|Arabidopsis thaliana At4g33625 mRNA, complete cds

AAAAGTTCATTGATTCAATCATCATACCCAATCAGTGAGGACATGGAGAGAAATGGAGAGGGGGCACCGGCA
GCGTCATCGTCATCGTCATCGTCGTCCTTCTCAGATCACCAGACCTAGAAGAAGTGTGGACCTTTGCTTGT
GACTTGCAGGTTTTTCAAGTGTATAACAGCTCTCACTGCTATTCTCTGTATAGTTTCCAATGTTATCTCTGCAATT
CGGTCCTTTAAGAACCAATCCGATATATTCGATGGTATATTCGGTGTTATGCAGTTGTGATCACATTCTTCGT
GGTCTTGCTGAGACGGAATGGGAATTTATTTTCAAGAACTGGAAGGTATTAGAATATTGGGCTGGCCGGGG

CATGCTGCAAATCTTTGTTGCAGTCATGACAAGAGCTTTCCCGGTGTATTCTGTAGAGCAGAGAGAGCTTATTC
TTCTTCAAGATGCTGCAAGTTATCTTCTCCTTGCCTGTGGTGCAGTCTATGTTGTATCGGGGATACTGTGCATT
GGGTTTCTCAAACGAGCTCGTGAAAAGAAAAGAACTGCAAAGGACAAGGTGGTCAAAGATCTTCAGGAGTTG
GAGAGACAAAAGCAAGAACTGAACAGTTGCTCATTTAGAAAAGTGTGAAACAATTTAAAAACGTCCCTAT
GCACAAGAATTTTATTGCTCCTGATTCTCACTTCGCTGCTGGGATTGTATGAGCATTGTGCTGCTTTGTTTTT
TACTCTACTGTAATTGTCCCCTTGCTAAAGTGAGTTTGACTCAATGGTATTGATATGATCTTTATCACTTGAGG
TTTGATCACAGTTATTGTACTAAAAATCCATAATTGTCCCTCTACTCATGTAAATTGTGTCTAACTTAATAATTT
GTCCCTG

>trans_s_2505 AF380653|Arabidopsis thaliana At2g17240/T23A1.10 mRNA, complete cds

AATTTCATAAATCGAAAGGATAATTTAGCGGAGGAAACAGTGACGCCGTGGTGCAGAGAGAAAATAAGAGG
CGGTCCGGTGTCCATCTACTCTTGTGGCGGCTATTTCATTTTGGTGGAATCGGCCACCAGCAGATTCAAGTAAG
ACTCGAGCCGTACCTCAAGGTCGAGGAAGTTCATGGCGTCGATATCCCTTTTCAGCTCTAAAACCTAGTCTC
ACCATCGGCGACCTACCTACGGATATCTTCTTCTCATCTACAAGTCATAGTTGCTGTCTTGGTGGCTGCAGAT
GCTCCTTCCCAATCAAGCCGCTTTCTACTTCTAATTTGATTTTTGGTAGAAGGAGAACGGGGAGGCAGGTGGT
CCGAATGGCCCCGGAGGAAGAGAAGCTCACTCGTCGCAATCCTCTTGATTTCCCTATTGAGTGGGAGAGGCCT
AGGCCAGGACGTAGACCAGACATCTTCTCAATTTAGCCCCATGAAAACACCATTGCCACTACCATTGCCATG
TGATCCCCCTGAAGAAGATGAAGAGGAGGAAGAGAAGAAAGAGGAAGAAGAGGAAAATCCTGACAAGGAA
AATCCAGAAGGGCCTGAGCAGCAATAGATGCTGTCCTTGAAGAACTCCCTGAATTCCTTTCCATTTTCCATCT
TCACTTTGTTTTTGTATAGGCTGAAAGCGTTAGACATCCCTAGGGGATGATGAGCTGAGTTAGTTTACAATGA
ACCAATATGTCTGAGAGCTACTACTGATATTGCAATGCTATATTAAGTAAAATCTCTTAGGATTTCTATTTT
CTTGAGTTCCCCACTATAGGTAATGTATTTTTACAAATAATTATCCTGAATGATATGCCTTCTCTCCCGTTTGT
CTCACAAAAAAA

>trans_s_2506 EU931224|Rheum australe O-linked GlcNAc transferase-like protein mRNA,
complete cds

CACTCCATTGCAGCTACTAGATCCAAAGAGCCGGCCGGCGACGGAAGTGGGCCGAGAGGGTGGTTGCTTTAG
TTGAAATTTCTTTGTAATTCTCAATCCCAATTTCTCGGCCACTCTCTAAATTTGCGAACATGGTGAGTAAAGCA
GAGGAGGCCGAGTTGAATAGACTCGAAACTCAGGTGCGATAATGGTGGTGGAGGTGCTTGGGACTACCTTTGC
CTCATCAGGAAGCTCAAGGTTGCGCGTTCTCATAAGGTCTTAACTATGGATTGTCGATCTTGAATGATTCCAG
AAAGCGATCCGGTCTCGGCCAAGAGGAGTGGACCCTGTACGAACAGGTAACAATTGCAGCATTGGACTGCCA
AGCCATAGATGTTGCAAAGGACTGCATAAAAGTTCTTCAGAAGAAATTTCCGCAAAGTAAAGAGTTGGGAG
GCTAGAGGCTATGTTGCTTGAAGCAAAGGGATTGTGGGCTGAGGCAGAAAAGGCTTATGCTAGTCTTCTAGA
AGAAAATCCATGTGATCAAATAGTACATAAAAGAGGGTTGCTCTGGCTAAAGCACAAAGGCAACATTGCTGG
GGCTATTGAATGGCTTAACAAATATCTTGAACATTTATGGCTGATCATGATGCTTGGAGAGAACTGGCTGAA
CTATATATCTCTCTCCAAATGTACAAGCAAGCAGTTTTTGTACGAGGAGCTGATACTATCCCAACCCACAGT
TCCTCTGTTTCACTTAGCTTATGCAGATGTACTTTACACATTAGGCGGCCTAGAAAACCTTCAGACAGCAAAGA
AATACTACGCATCTACTATAGACTTGACTGGGGGCAAGAATACCAGAGCTTTGTTTGGCATTGCTTGTGTACA
TCTGCCATTGCGCAATTT

>trans_s_2507 EU716314|Camellia sinensis histone H1-like protein (H1) mRNA, complete cds

ATATTCGATAAGCGTTTTCGCTCTTGAAAATTTTGATCATGACATCGACGGGAGAAGCTGCAGAAGTGAAAGTT
CCGGCGGAGGATGTTGCTCCTGTGGAGGTTGTTCCGGCTACGGAGGAGCCGAAGGAGGTAGAGAAGCCGGT
GAAGGAGAAGAAACCTAGAGCTCCGAGGGAGAAGAAGCCTAGACAGTCTAAAGTTGCTTCACATCCACCGTA

>trans_s_2508 XM_003081422|*Ostreococcus tauri* ATP-dependent RNA helicase (ISS) (Ot10g00350)
mRNA, partial cds

>trans_s_2509 EU301691|Cucumis sativus 6,7-dimethyl-8-ribityllumazine synthase mRNA, complete cds

>trans_s_2510 EU373034|Gossypium hirsutum gland development related protein 43-like mRNA, complete sequence

AACCACATTTCTCTTCATCCCTTTCCCTTTCCCTTTCTTCGCCTGAAAAACCTTAATCCCATCTTCCTCTCCAGTT
TTTCTTCACCTTCATCATTAGCCATGTTTCGTACAAAGCTTTTCTCACGCTCCTCCCGCACCATTCTCCGCAGCTC
GCTGCTCTCGTCGGCCGCTCAATCCGACAAACCCATTCACTTGCCAATTCTCGTAATCGCTTTCCTCTCTTGC
TAACCAACCAAAACCACAAGGAGTCAACGTTACATCGTTCAATTTTCTTCAAAAATTTGGATTATCAACATCTGC
ATCCCTGAGACTTCTAACAAGGAAAATGGCAATTCAGCACCAAGTAATGGGAGCTCTAAACTGATGCAGA
GCCGACGGCTGAACTAATGGTCGAACCCGAGAATCAGATTCTGAGAGCGATGACAATCTTTACATTGATGAT
CTGGTGAAAGTTGTAGCTGAGAAGGAGGAGCTTTGAAGGTAAAGCACAAAGAGATTGAACAAATGCAAGA
TAAAGTTATTTCGCACTTACGCAGAGATGGAGAATGTGATGGCAGGACAAAGCGTGAAGCTGAAAATTCAAAG
AAGTTTGCTGTACAGAACTTTGCAAGAGTTTGCTGGACGTTGCAGACAATCTAGGACGAGCTTCATCCGTAGT
CAAGGAAAGTTTCTCAAAGATTGATTCACTAATGACTCTGCAGGGGCAGTACCCTTGCTGAAAACACTTCTT
GAAGGTGTTGAAATGACTGAGAAACAGCTGTCTGAGGTGTTAAAGAAGTATGGAGTGGAATGTTTGATCCT
ACAAATGAGCCATTTGATCCACATAGGCACAATGCAGTTTTTCAAGTACCAGATGGTCTAANGCACCTGGTA
CTGTTGCAGCTGTA

>trans_s_2511 XM_002877880|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata chloroplast lumen common family
protein, mRNA

ACAGCTGCTCGAAGGTAAACAGCCGTGGAGTCTCTCCCTCACTTCACCACCGTCGTTTTTCTTCTCACCAACTC
CTTTCCTTCAGCCACCGTCTCTCCTCCTTCTCTAAACCCATTTCTTCTCTCCCCTTCCGCTCTCCGCCCGCTCTCG
CCTCCGTTCTGTCTGTCAGGTCGTTGCGTGTTAAAGCCTCATCCTCTTCATCGACCTCCGACGATACCACCTCTCC
TAACGGCGGCCTTCTATCGGGATTTCTCAAACCGCTTGATCTCCGTTGCCGTTGCTGCATTTTTCTTTCATCG
CTTCGACTATCGACGCTTTGTTGCTGTTGCTGTCCAGGTGGCGCCGAGACGACGGAGTCTACTGATGAATCG
ACGGAATATGAGGAAAATGAGAGCGTTGTAGAAGAGAAACGGGCTGATGATTGCAATGATGTGCAAGCTCT
TCGATCTCTCGTTGAGGAGAGTGTGAAATCAGGTAAACTCCAGAAGCAGTTGAAGCCCTAAACCGTTTGATT
GAACTTGAACCCAATGACGTTGAGTTGCCTATGTTAAGGGCTAATTTCCATAGCTATATGGGGGAGCTTGAAT
TGGCGAAAAATGAATTTGAGGAGATTTTAGCGAAAGACCCACTTCGCGTTGAGGCTTATCATGGACTTGCAAT
GGTGGCGTAGCAACTGAATGATAATTCATTGAAGGACGTTACTAANAGGATCGAAGAAGCAATGGAGAAAT
GCAAGAACCAGAAGGACAAGTCAGATATAAGGGATTTCAAGCTCTTGGTCGCGCAAATTAAGGTAATGGAAG
GGAGTTATCTTGATGCGTTGAAAGCTTATCAAGAACTTGTGAGGGAGGAGCCAAGGGATTTTAGGCCATATCT
ATGTCAGGGGATCAT

>trans_s_2512 XM_002867996|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA recognition motif-containing
protein, mRNA

TTCGTGCCATAGCGATTTTTCTCTCATCAGAGGCGACGAAGACTTGTCGCACTGAGGGGGAAATCCTATATTC
AGTATCAAATTTTCCGTTCTTAATTTGTTAGGTTTCAATTTCCGGCGATCGTCGGTCGATTTCTTCTCCGTTC
GGCGATTTTATCTTCTCATTTCAGCGATGTCGATTAAGACTGTCAAAGTCAGCAATGTCTCCCTTGGAGCGT
CTGAACGAGATATCAAGGAGTTCTTTTCTTTTCTGGTGACATTGAATATCTTGAAATGCAGAGTGAAACTGAA
CGGTCTCAAAGTCTTACGTAACATTTAAGGACGCGCAAGGGGCAGAGACTGCCGTTCTTTGTCCGGAGCAA
CTATAGTGGATCTTTCTGTCAACATTACTTTGTGTCCCGATTATGAGCTCCCTCCTGAAGCTACCGCACCACTC
CTGCCCCTGGAATAAACCACTGGTGCTGCTGAATCTGCCTTTCGGAAGCAGAGGATGTGGTTAGCGGGAT
GCTAGCCAAGGGCTTTATCTTGGGCAAAGATGCACTCAACTCAGCTAAGGCATTGATGAGAAACACCAAGTTA
ACTTCCACGGCTTCTGCTAAAGTTGCTACATTGGATAAAAAAATTGGGTTCACTGAGAAAATTAGCGCTGGTA
CATCGTTGGTGAGCGACAAAGTTCGGGAAGTAGACCAGAAGTTTCAGGTTTCTGAGAAGACAAAATCTGCAT
TTGCAGTTGCAGAAAGAAAAAGTTAGCAATGCTGGATCTGCCATTATGAAAAACCGATATGTAATGAGCGGGA

CTAGCTGGGTTGCTGATACTTTTCAATAAGGTAGCCAAAGCAGCTGGAGAAGTTGGTCAAAAAACAAAAAG
AAAGTTGTGGTGACG

>trans_s_2513 NM_202510|Arabidopsis thaliana transcription factor (AT3G06590) mRNA,
complete cds

ACACTACAAATTTCCCTTCTTCATCTTCTTCCCCCCCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCACACCACTTGCAGAAGA
AGACGCCATAAGAACGTGTTCCATTTATTTCTTCTTCAATTTCAACCATCTCTCTCTTTTCCCTCTCCTTAATCTCT
AATTCAATCTTCTTCATAGTCTATCTCTTCTCTTCATTCTACAAGGAATCCCCTCAAGGAATTCGTTGTGTTAA
TTTAGAGGAGGGAAATTGGATTATGGGTTTGATGATCTTTGAATCATTGATTTATTGAGGGAATCAATTTTTTG
TTTTCTGAAGATCGGATCGGTGCGTCTTGATGGCGTCATCTGTTCTTTCGAACTCCGATCGTGACGGGAGTCT
TCTTCGAGGAAGCAAAAGAAGAAGAAAAGCCATGGCAATAGAGATCATCATCAAAGCCAGAATCATCATATT
AAATGGAAATCTCAAGCTCAACAGGAAATTTACTCATCCAAGCTAGTGCAGCATTGAATCAAGTCAGACTCA
GTCCTTCAAACGAGGCGCCGCCACGCCGCGCAGAGCTGTACGTGAAGCCGCCGATAGAGTCCTTGCCGTTG
CCGCCAAGGGGAGAACTAGATGGAGTCGAGCCATATTACGAACAGGTTGAAGCTGAAGTTTAGGAAGGCG
CCAAGGAGACAGAGATCAACATCCAGCGCTGGAACAACCGCTCAAAGAAACCTAGAGTCAGCGTATTGCGG
TTGAGAGGGAAATCCTTGCCGGCGGTACAAAGGAAAGTTAGGGTCCTTGGTCGGCTGGTTCCCGGTTGCCGG
AAAGAACCATTGCCGGGTATTCTGGAAGAAGCTACCGATTACATAGCTGCACTTGAAAAGCAAGTCGGGCC
ATGAGTGCCCTTGC

>trans_s_2514 NM_001052711|Oryza sativa Japonica Group Os02g0194200 (Os02g0194200)
mRNA, partial cds

ATATTTGCAAAACCTTCCCTCTCTTTTAGGGTTGGTGTTAGGGTTTTGATTCATTTTTTTTCTTCTGTTTCTTT
TGAGTATTTAGATTCTATGACCTTATCGTTTTAGACATATTCTTCGATTTTGTTTTGAGCTCATTAGTTTATT
GTGGATCTTGATCTGGGTTTATTACCAATGGATACGCGCAAGAGAGGAAGGCCCGAGGTTGGATTAAATGCT
AATGGCGGCTTGAAGAAGTCCAAGCAAGAAATGGAGTACTTATCAACTAGTGTAGCAAGCAAATCGAAGCCA
TGCACCAAATTTTACAGCACTACTGGCTGCCCCTTGGTGAAGCATGTCATTTCTGCATTATGTTCTTGGCGG
TTATAACGCGGTTGCGCAAATGATGAACCTACCACCTGCTCCTCCAGCACCTAGAAATATGAGGGCACCCCT
CCAATGTGAATGGCTCAGCCACGCAGGTTGTTAAAAGTCGTATGTGCAACAAGTATAACTCTGCTGAAGGCT
GCAAATTTGGTGACAAGTGCCATTTTGCCACGCAGAATGGGAAGCTTGAAGGCTTCAAGCTCCATCTCACGA
CGATCCTCGGTCCATGGGACATATCCAAATCGTTTAGCCAATAGGATGGATGCAGCTCCACCAGCCCTTGCA
GCCAGCTTTGGTGCCTCTTCCACGGCAAAGATTAGCGTAGATGCTTCCCCGGCTGGAGCCATTATAGGAAAGG
GTGGCATTAAATCCAAGCAGATTTGTCGTCGTACAGGAGCCAACTTTCCATTAGGGACCATGAATCAGATCC
CAACCTCAGAAATATTGAACTTGAGGGGTCGTTGACCGAGATTAAGGAAGCAAGCGCAATGGTACAGGAGCT
TATCGTGACAGTTT

>trans_s_2515 NM_001185496|Oryza sativa Japonica Group Os01g0565650 (Os01g0565650)
mRNA, complete cds

ATTACAGAATGAATGCAACGTTGAATTCTGGAATTGTTTTCTCTGAAGACATAGTCGATGGTAGTGATTCCGA
TACGAATTCAGCTGAAGGATCGGATTACTACGAGCCGATCTCGGCCATTGATGGTGAAGAATCCGATATAGCT
GAATCAGAGGACGAAACCTACAGCTCTGATACTCATTTCCACCAGTTACCTAACGGATGCGGTGTAGAGAATG
CAGTTTCGTCTCTTACCTTGAACGACGATGTGGAGAGAAGGTGTAGCGATGACGAAGAGGAGGAGAGGATG
AGAGAGGCTTCTGATTGGCGGATAAGAATGGCGTTTAGAGAGGATGAACTCGGCGGAATGCACCGCTGTCTG
CTGGAGAATACAACGAGAATTATGGAGGCCATGCGGGGCATCTCGTTTGGTGGCTCTGCTCCAGATTGGACT
CGGATTGTTTCGGAGGATCGTTGGATTGATCAGCTTCGAAGGCTTAGGCAAACGCCTACTGTTTCCAATAGTA

TCAGGAACTGATAAACGGAACGTTTGGCATTTCAAAATTCAGATCCCTTCTTCTTTTTCTTCTTCTTCATCATCA
TTCCTTTTGGTTGTTAAAGAATTATCCCATTGACTCTCTGGATTATCCTCATGAATAAAGGATCCTTCTGGGTTT
TGATTCACGAACAGTTCCTCCATTTCTCAATCCTACCCGATTTCTCCATATATCATAAATTGAATGTCATTCAA
CATATGCTTAGAACGAGTTTAAAGATTCAAATTTGTGGTTTCCTGATNGAGTAATCTTGAAAGAATTCCAGCCA
TGACCTTTCATGAGCTGCTTGCTTGATAAAGCTCTTGAAGCACGATGTACTGATTTCTGTCAACCCGGCTAGAA
CCTGATGATGAAA

>trans_s_2516 AJ316582|*Atropa belladonna* complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

AATTGACTTTATTTCAACTATCAAAAAGTCACTTTCCAATATTACTAATAAGAATGGAAAGATCTTTTTGGACTT
ATCATACTTGTGCGAAGCATATTTATTTTACAAATTATCACAAACACAAATTATTAATTTATCTAAGTTAAGACC
TGTCTTTCAATATCACGGAACATCTCGTTTTCTTAAGAATGAAATAGAGGATTATTTTGTGAAGTTGTTGGAG
CACACGAAATATTACATTCCGACCTAAAACAAAATAATCTTGAAAATTCTGGAATGAGAAATCAATGGAAAAA
CTGGTTAAGGGGTCATTATAACTTGGATTTATATCCGATTAGATGGTCAAAATTACTCCCCAAAAATGGCGAA
ATAGAGTTAAGCAAGATCGTAAAAATAAAGATTTTAACCAATGTTTTTCAGATGAAAAAAACCGATTAATTGCT
TACAAAAAACAAAATCATTTTGAAATAGACGACTCATTACCAAAAAAAAAAAGATAAGAAAAATAAAAAATAT
ATATATGATTGTTTATCATATAAATCTATTAATTATGAAGATAATAAAGATTCATATATTGTTGAATTACCAGTA
GAAGTAAAAAATAATCAAGAAAGTTCTTATAAGTACAACACGGATAAATGTAAATTTATTGATATACTGACTG
ATATCCTTATCAATAATTATCTACGAGAAGATGATATTATAGATCTGGAAAAACTATGGATAGAAAATATTTT
GATTGGAGAATGCTGCATTTTTCTATTAATAAAGGTGCATATTCGATCCTGGATCCATATTGAGGCTGACAC
GAACAGTAAGAAAGATACTATAACTGGGGTTAATCATTTTTCTACTAATTAATAAAAAATAAATAAGAACATTTTG
TTTATCT

>trans_s_2517 NM_121973|*Arabidopsis thaliana* leucine-rich repeat family protein (AT5G19680)
mRNA, complete cds

AGAATTCCTATTTCCCAATCAATCAAGCGCAAAGCAGAAGCTCCATTTTTCCGCGAACCAAGCTTCAGCTTCAA
GCTTCTTTTCGCCGTCTACGTCTCAAGTTTTTCGCATGGCCGCCGTAAGCGAACCATCGCCGGTTTCGGAATCGAA
GGAGGATGATCTTAATTCTACGGTTCTTGATCTCACCAGCTATCAGCTCCATGACCTCGACTCTATCGAGTTGC
CTTCGAGTTTAACGGAATTGGACCTGACTGCGAATCGACTTACGAATTTGGACCCTCGGATTGGAGAGCTCTC
GAACCTGAAGAAGCTCTCTCTTCGTGAGAATCTCATCAATAATGCTGCTGTTGAATCGCTATCTCGCTGGAACG
CACTGTGAGGTCTCGAGGAACTTATTCTCAGAGACAATCAAATGACGAAGATACCTGATGCGAGCATATTCA
AGAGGCTTTTGGTATTTTGATGTTTCTTTTCAACGAAATCACTTCGTTACATGGCTTGTGCGACGGTCTCCAATAC
ACTGAAGGAACTTTATGTATCAAAGAATGAAGTTAGTAAAAATGGAAGAGCTAGATCACTTCCTTCAGTTGCGAG
ATTCTTGAGCTTGGTTCCAATAGACTGCGGGTAATGGAGAATATGGAAAACCTAACCAATTTACAAGAGCTAT
GGTTAGGGCGTAACCGAATTAAGGCAGTAAACCTTTGTGGACTGAAATGTCTCAAGAAAATTAGTTTGCAAA
GCAACCGTTTGACTTCAATGACAGGATTTGAAGACTGTGTTGCTTTGGAAGAACTGTATCTAAGCCATAATGG
AATTTCAAAAATTGAAGGTGTTTCGACCTTAGTCAATCTACGGATATTGGATGTCTCATCAATAAGCTAACGA
GTGTGAGTGACAT

>trans_s_2518 AB218718|*Prunus mume* Pm15 mRNA for Cinnamyl alcohol dehydrogenase,
complete cds

GAGGTCGAAGAAAATGAGCGGCGAAGCAGCGAAGACTGTGTGCGTCACTGGTGGCTCTGGATACATAGCTT
CTTGGATTGTTAAATTCCTTCTCCAACGAGGTTACATCGTCAAAGCCAGTGTTGCAAATCCAGCTGATCCAATC
AAAAGTGGCCATTTGCTTTCACTGGATGGAGCTGCTGAGAGACTTCATCTCTTTAAAGCCAATCTCCTAGAAGA
AGGTTCTTTGATTCTGCTATTGAGGGTTGTCAAGGGGTTTTTCATACTGCTTCTCCCTTTTTCCATAATGTTTCA

GATCCTCAGGCTGAACTTATTGATCCTGCATTGAAAGGGACACTGAACGTTCTAAAGTCAGTAGCAAAATCGT
CATCTGTCAAGCGAGTTGTCTTGACATCTTCTATGGCTGCTGTTGCTTATAATGGACAGCCTCGCAATCCTGAT
ACAGTAATTGATGAACTTGGTTTTCTAACCTGAGATTTGTAAGGAACTGAAGCTTTGGTATGTGCTCTCCAA
AACTTTAGCCGAGGAGGCAGCCTGGAATTTGTAAGAGAAAAGGGAATAGATATGGTTACAATAAACCCGGC
TATGGTTATTGGTCCATTATTGCAGCCAACACTGAATACTAGTGCCGAAGCTATTTTGAACCTAATATCCGGAG
CACAAACATTTCCAAATTCACATTTGGATGGGTTAATGTCAAAGATGTTGCTAATGCACACATTCTAGCTTAT
GAGGTTCCATCAGCCAATGGAAGATACTGTCTGGTTGAAAGCGTGATTCACTATTCAGGAATTTGTCAGATAT
TGCATGATCTCTACCTTCACTTCACTCCAGACAAGTGTGCTGATGACAAACGTTTACACTCGTGTATCAAGTC
TCAGTTGAGAA

>trans_s_2519 AY104684|Zea mays PCO071606 mRNA sequence

ACGCTCAATTGCCTAAGCGCTTTGAAGGCTTGGAGGGTCCTTCTCAGCTGGTGGACCTGGAAAGGGGATGTA
CTCTCGGCTGTATCTTCAGGTCTTAAATGAGTATCCACAGGTCCAATCGATTCAGCATTACAGCAGTATTTACA
ACAATAGTGGCTTATTTGGCATCAAAGGAACTACTGGTTCTGATTTCTGTTCCAAAAGCCTTTGATATTGCTGCT
AGCGAGCTGTTAGCTATTGCAACTCCTGGAAAAGTTCAACAAGTGCAGCTAGACCGTGCCAAACAGTCAACAA
AGTCAGCTGTGCTAATGAATTTGGAATCCAGGGTGGTTGCTTCGGAGGACATAGCCCGACAAGTTTGACATA
TGGTGAACGGAAACCTGTGGAACATTTCTTGAAAGCTGTGGACGAAGTAACTCTGGACGATGTAGCTTCAATT
GCACAAAACTTCTCTCATCTCCATTGACAATGGCCTCATATGGCGATGTTATTCATGTTCCAAGCTATGATTCT
GTCAGCAGCAAGTTTAAAGTCAAAGTGATTGATCTTTTTCTATGAACAAATAAAATTAGTCCCCAGACGGAACAT
AGAAATTGCTATCTTCAAGCCTTGTAACACTGTCTTCTGAAAATAAGACAAAGTATAAAGATCCAGTTTATCTCA
ATAATTGGTAAATTTGAGCAAGCCCCTTTTGTCAATACCCGATCTCTATTTGATGGTATGTTTTGTTCCATCTA
TCTAATAGTAAAGTATTCTTCAGTTAACAGTTCATCTTGAAGAAAGTTCATGTTCTGAAAGCAATTTCAGAAT
GTTTGTATTTTGAACATTGNCATTTGCGCGGCCTCTGAGCACAATCTGAGTTGATTTTTTTTTTATCTTTAATA
ATAAAGTGC

>trans_s_2520 XM_002327053|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP82C10v1), mRNA

AGTACNGTTTACATATCACTGGAACAGTTCATATTACAATTTCCAATAAAAATCTCTTCGACTTAATTTTGTTTT
GGGTTCAAAGAGCCTTCTCATAGTGCTAAAACTCCAAAACTCTTGAATGAGCAGCACATGAGATGGGACA
GCTCAACACCCTCTTCGGAATAATCTTTCCTCTTCTCATCCTTTTCTATGTTCTCTTCACTTGGTCCCGGAGATCC
GTCGCTCAACGGAAGAGGCTCCACCGAAGGCTGGTGGCGCTTGGCCAGTGATTGGCCACCTCCATCTACTAA
ATGCAAGTGAGCCAACCTCACATAACATTGCAAAAATGGCGGATGCATATGGACCAATGTTACATTTAGGTT
TGGTATGAATGAGGCGTTGATTGTAAGCAATTGGGAACTAGCAAAAGAGTTCTTTACGACAAACGACAGAAT
CTTCGCGTCTCGTCCAAAGCTTGTAGCCTCAAACTCCTTGCGTATGACTATGCCATGATGGGGTTTCAGCCCT
ACAGTCCACACTGGCGCCATGTACGAAAAATAGCCCACTCGAACTCCTGACGAACCATCGTGTGGACCAGCT
CCAATACATAAGAGCATTGAGATCAAGACATGGATGAAAGAACTTTATGAGTTATGGAGGCTCAATAACAAA
GGTGAAAAAGTTGTGGTGGAAATGAAAAAGAGATTGGCAGACATAACGCTGAATACAATATTCAAGATGGTG
ATTGGGAAGAGATTTTCTCTATAGAGTATGGTAATGAAAAGTTTCAAAATGTGTTAATAGAGTTCTTTGGATT
GTTTGGTATATTTATTCCATCGGATTCTTTCCATTTCTGAGTTGGGTGGACTTGGGAGGACATGAGAAGGCCA
TGAAGAAGACAGCC

>trans_s_2521 AY129468|Arabidopsis thaliana At2g25900/F17H15.7 mRNA, complete cds

AGTAACCGACCGCGGTTGAAAACCAAAAATCCCTCCACCCTCTCTCCGGCTTCCGTCTCAAAAACCTGGCACTT
CCCATCCCATCTTCAAAAACCTTCCACTCCATTTCTCTCTCAAACTACCATGATCGCCGAATCAATGCTCCTC
AATCCACGGCTCACATTTCAACCTGGGACTCCCTCGACGATCCCTCCGCCGAATCTCTTCTATTCTCCGCC

>trans_s_2522 NM_127130|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein (AT2G15690) mRNA, complete cds

>trans s_2523 XM_002324047|Populus trichocarpa chorismate mutase (CM1|CM), mRNA

>trans_s_2524 NM_125546|Arabidopsis thaliana small G protein family protein / RhoGAP family protein (AT5G61530) mRNA, complete cds

TTCTTCAGCTTCTGCAGGCTGAGCGCGTATTTGCCTTTTCGTAATCGGCTTAATCAATACATATCTTTGAACTGA
GTCTGGCTTCATGGTTGGTTCAATGCCTACTGTAACTCTTCTCAGTGGCAAGAGAAGACTAGTGGTTTTTTTT
CTTCATCAGGAGTGAAGCTGAAAGAAGCTGGACATTCAGCTGGAAATTTTGTTGAGGAAGTTGCAAAGGATG
CAAAAGGAAATGCTGCTGATGTGGCTGAACGGGTTGGTTCTTTGTTCAAGAGTCGATGGGCACTCCTCCAACA
GCCAGTACCAGACATGCTGTGCAAGAACGTCTAATATCTGCTGCTGCTACTACAGGCACATTCTTCAGAAAA
GGAGTGTGAGAGACAAAGGACAAGGTTGTTGTGGGGAAAGTTAAAGTTGAAGAGGTTGCAAAAAAGACTGC
ACAAAAGAGCAAGACAATTTTGACAGATATTGAAAGATGGCAGAAGGGGGTTGCCAGTACTGATGTATTTGG
AGTTGCAATTGAGGTAAGTGTACAAAGACAACAGTCAAGCAGGGTTATTCCGCATATTTTGTTAGATGTGCC
GATTATCTTGTCTTGTGAGGATTAACTCACCATGGTTGTTCAAATCTGACGGAGATAAAAAAGGTTCTTCAGCA
GTTGGTGTCTATGTATAATCAAGATCCCAACGCCGCTTACCTGAGGGTACAAATCCAGTTGATGTAGCAGCT
CTTGCTAAATGTTACCTGGCAAGTCTTCTGAGCCACTAGCCACATTTGAGCTTTATAATGACATCAGGGGTGC
TCGTACAAGCATAAATGCCCTACGAAACATTTTAAAGAACTTCCAATGTGAACTACATGACCTTGGAGTTTA
CTACTGCCCTACTTC

>trans_s_2525 AF495716|Helianthus annuus GTP-binding protein (RAN) mRNA, complete cds

TGCTTGCTTCCTCCCTCCATTGCTGCTCTCCGTTCGTCCAAAAATCTACGCAGTTCTCTTTGTATTCTTGATCCTC
AGTCGGTTATAGACGTTGCCAATGGCGCTGCCAAACCAGGCCACCGTAGATTACCCTAGCTTCAAGCTTGTA
TTGTGCGAGATGGTGGAACAGGGAAGACAACCTTTGTAAACGTCATCTTACTGGAGAGTTCGAGAAGAAAT
ACGAACCAACAATTGGAGTTGAAGTTCATCCATTGGACTTCTTTACGAACTATGGAAAGATAAGGTTTTACTGC
TGGGATACCGCTGGTCAGGAGAAAGTTTGGTGGACTTAGAGATGGTTACTACATTCATGGGCAGTGTGCCATC
ATCATGTTTGACGTCACAGCTCGTTTAACATACAAGAATGTCCAACATGGCATCGTGATCTCTGCAGGGTCTG
TGAGAACATACCAATCGTATTGTGTGGAACAAGGTGGATGTGAAAAACAGACAGGTTAAAGCAAAGCAAGT
GACCTTCCACAGGAAGAAAAACCTTCAGTATTACGAAATCTCTGCTAAGAGTAACTACAACCTTGAAAAGCCCT
TCTTGACCTCGCCAGAAAGCTTGCTGGGAATCCGGAACCTCACTTTGTCGAATCACCTGCCCTTGCTCCTCT
GAAGTCCAAATTGACTTGGCCGTACAAGAACAGCATGAACGAGAGTTGGCGCAAGCTGCTGTACAACCTCTTC
CTGATGAAGACGACGATGCTTTTGACTAAGTGCATTTTACAAGGGTGTGCTTTTGGTGTATTTGCGTTACAAG
GGCCTTATAGTCATTGTGGTTCGTACGGTCGGTTGGTTGTGTTGCTATGTCGTGTTTCATAGTAGGTTTTAGGT
TTGGTTATGGTT

>trans_s_2526 NM_115950|Arabidopsis thaliana guanine nucleotide exchange family protein
(AT3G60860) mRNA, complete cds

ATTTCTGGTTCCCTTTGTTAGCCGGCTTGTCAGAACTGAGCTTTGATCCCAGGCCTGAGATCCGAAAAAGTGCT
TTACAAGTGTTGTTTGATACCTTACGCAAGCATGGGCACCTTTTCTCATTACCGTTGTGGGAACGGGTTTTCGA
GTCTGTCTTGTTCATATTTGATTATGTCCGACATGCTATTGATCCATCGAGTGCAAGTTCATCAGAGCAGG
GAAGTGATAGCGAGAATGGTGAGCTTGATCAAGATGCCTGGTTGTATGAGACGTGTACCTTGGCTTTACAAC
AGTTGTGATCTTTTTGTCAAATTTTATGGTACTGTCAATCCCCTATTGAAGAAAGTGTGACACTTCTGGTTAG
TTTCATTAAGCGTCCTCACCAAAGCCTAGCTGGCATTGGAATTGCTGCATTTGTTGCTTGATGAGCAATGCTG
GAGATTTATTTTCTGAGGAGAAGTGGCAAGAAGTGGTATTCTCATTAAAAGAAGCAACAACCTGCGACACTTCC
CGATTTCACTTTCCTAATGAACACCAATTCTACAATAAGGAGCCACAGGGTTGAGTTAAACGAGGAGAATAAT
GCAGAGACCAATGGTTCTGAGTTACCTGAAGATGATTCGGAAAGCCTGACAGTGCAACATGTATACACGTCA
ATATCCGATGCCAAATGTCGAGCTGCTGTTCACTTTTATTGATACAGGCAGTTATGGAGATCTACAACATGTA
TAGGTCTCACCTTTGACTAAAAACGTGTTGGTCCTATTCGATGCTTTACACAGTGTAGCATCTCATGCTCATA
GCATTAACACCAAGTGGGGCCATACGTACAAAGCTACAAGAGTTTGCCTCCATAACACAAATGCACACCCTCGG
CTGCTACGGC

>trans_s_2527 NM_001052165|Oryza sativa Japonica Group Os02g0106800 (Os02g0106800)
mRNA, complete cds

CAAGGAAAGATGTTTCAGTTGAAAGTTAAAGAGGAATATAACAGTTACAGGGACAGGACTGCTCTTCTTTTCT
CCTTTTCCCCTCTCTGCTGCTTGTCTAAGAGGCTGGGTTTGGGATGGATGCTTGCCTGCATTTCCAGTTCAACT
GTACCAGGCATGGCTCTTGTTCCTATACACAGGATTGGCATTGCGTGAAAACATACTAAGAGTCAATGGCAGT
GACATTCGCCCTTGGTGGATCTATCATCACTATTGCGCTATGATTATGGCACTAGTTAGTCTTACGTGGGAGAT
CAAAGGACAGCCAAATTGTGCCAAAAGCAGGTTTTACCAATTGTTTATTACCTACTAAATACATATCTACTCC
AAGCATTAGATTAACAGTACAGTTTCAATTATTCTCCAGAGAGGTGTACAACCTCTTCTACAGTGGGCCATGAT
GCAAGGAGTTGCAATGCTTTTACAAAATAGATATCAGCGGCAGAGGCTTTATACTCGGATTGCTCTTGAAAG
GCTAAGAGAATGGATGTCGTTTGGGGAGAAACAGCTGGTGTAGATGGTCAACTATGGATACTGTGTCCTATA
CTCTTTATCTTACAGGGCTTCGAGGCATACGTTGGCTTACTTCTCTCAAGACTGCATTGGTGGGGTGTGGTG
CTGAATGGCAGGTACTATTTTGTGGATTCTTTTGGTCTAATGGCGGTCGGGAACCTTCTCAAATACAGTTCAN
ACCTTAATGGTAAAATCAAGATTCAAGGCCAAAGATGAAAAGAAGCAAGAGCAAGCAGGAATTGGCCCAGAC
CAATTAATACGTAGGATTACTTAAATCAACAACCTGTAGGATCTATTCTTTACCTTTTCAGGTCTTGAATATGTT
TTGTCGAAGCT

>trans_s_2528 XM_002864667|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nuclear transport factor 2 family
protein, mRNA

ATTCTCTACTTGTCTTCTAGCGCTCAGATCTCTCTCAAAGCTCGATTCTCTGCCCTTCAAGCAGATGGCGG
CAACACAGGAAGCCAGTTCTTCCCCTACTCCCAGTGCTCAAGTTGTTGGGAATGCGTTTGTGGGCAGTACTAT
CACATCCTTCATCATTCTCCCAATTGGTGCATCGGTTCTATCAGGAGACAAGTTTGCTAAGCCGCCTGGATAG
TAATGGAGTGATGACAACAGTGACAAGCATGCAGGCAATAAATGACAAGATCATATCCTTGAATTATGGAGA
TTATACAGCAGAAATAATAACTGCTGATGCTCAGGAGTCTCATGAGAAAGGAGTGATTGTCTTGGTTACGGGA
TGCCTAACTGGGAAGGACAACCTTGAGAAGAAAATTTCCCAAACATTTTTCTTGCTCCGCAGGACAAAGGCT
ATTATGTCTTAAATGATGTGTTAAGATATGTTGAAGAGACTGAATCTATTGCAAGCAACTCTTCTTCAGGTGAT
GCCATCAAAGACAATACCATAACGGTGACATCAACCCAGAACCTTAACCATCTCATGTTCTTAACCATCTCAC
TGTGGAACCTCCAACGGCACTGGAAGAGGAAGATATGAACAATGTTCTGAAGTGTGTGATCCTTCCAGTAAT
GATGAAGGATCGGTGATTGAAGAGGAGGTGGTTGTTGAAGTTCCACATCCAAGCGAGCATGAAGTGGTTGT
GACAGCAGTAGATGCAGCCCCTGTTGCTCAAGAAGATGCTCCAAAGAAGTCGTATGCATCAAATTGTAAGGT
GACAAAGACAGTATCTGGCCCTGTTTATGTCCAACTACTACTGTAAGAGCACCAACCTGCAAATCCTGGA
CATCAGTCAATTGGC

>trans_s_2529 AL161560|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 60

ACACATCAAAGGCATCTGTTAGCTATCTTGCTGATGCCTCTTGCTTGGCTTGTCTGTAATAATCATAACAGTTTGAAT
TTGGAGAATCCCATGGTGATACATGGGGAACCGCCACCATGGAGGAAGGAAGTGAATTTTGTGGTCCAAGA
TTGGATTTGGAAGGCTCCCTTTACGACGACTACGATCTGACCGAACCCCACTGAATTTGAATTTAGACGACGA
AGTTGCTCGAAGAGCTGAAGCACTCATACGTGACTTATATGATAGGACATTGGCTATGCTCCAGAGGCACCAC
GCAGCATTGCTCAAAGCCGTGAAGGTTCTCATACCCAGGAGGAAATAATTGGAGAAGAAATCGACTTCATTC
TAGACAATTACCCTCCACAAACACCTATTAGTATTCTTTCGCAAGAGGAAAACCCTGGAAGCCTCCCATTTGTA
AGACGAAAACGAGGAAAAGAACAGGAACAAGAAAAGGAACAAGAACGTGATTTTGAGTATGCTGCCATTCC
TCAGTCGGCGATCAGCAAAGCTTGAGAAGGATACAAAACCTGTATGTGAAATTGGCAACTGATTTTGAGGCTC
CATGACCTCTCTTTCATCGCATCATCAGTTTTTGAAGTTTGAAGAGATGGTAGCAGCTAAATTGAGATGGCA
AATATTGCCATATTATTTCTCAAAATTTTCTTTTATAACAAATTCTCATGGGTTGAATTTACAATTTGAAG
TCAATATTATATATTCTTTAGGTAGAACTTTTGATCTTTATATACTATATTTAATATATTATTTATCTTATATGTTT

GGTAGTTTCTCATCAATATCTTTGTATTAATAAAAGTACAACCTTCTTGGCAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_2530 XM_002878371|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata arginine/serine-rich splicing factor
31 (ATRSP31), mRNA

ATCTTCGTTAAAAAGACTCTGCCTTTCTCTCCTCCTAGGGTTTCTCTGTTCTGTTCTGAATCCGAGAATCTGCAA
GTACGATCGTTTGTAGCAACGATGAGGCCGATATTTGTTGGGAACCTTGGGTGTGACACCCGGCAATCTGAAC
TGGAGCGCTTATTCTCCAAATATGGGAGAGTTGAAAGGATCGACATGAAATCTGGGATTCTTTCTAAGGAAAA
TGAGCCAAGCTCCTATCTGGGCTCACCACCATGACACCATCATTCTGATTTTTCTTCAATCAATCATTCTGTCATT
CATCTACCTCATCACTTAAGTTGCAATACACCAGAATCGTCTTAATGGATTGATCTTTATCTCATGCCTCATCAA
TTAAGTTGCAATTCATCAGAATCGTGTTAATGGATTGATCTTTATCTCATGCCTTGCAAATCTATCACCCTGAT
CATAGGACATCACTGAAATCTGATCATGCCTTCCATATCTGAACTCGTGCTGTGTGAAGGTGAAGGATAGTTG
AATTTTTGGATTAACCTTAAGTAGGCAACCATCTTAGTCCATCATGCAACGTCTCTACCGCTATATGTGCATC
AGTCCTCCCATATTTGCAGGTTTTGCCTTTGTTACTTTGAAGATGAGAGGGATGCTGAAGATGCCATTCGGGA
CTTGATAACTTGCCATTTGGTTATGATAGACGCAGATTGTCTGTGGAATGGGCCAGGGGTGAACGAGGTCGT
CATCGTGATGGGTCCAAGTCAATGGCAAATCAGAGGCCAACAAAAACCTGTTTGGGAACAATTCGACCCCA
TCCGTACAAGAGTACGTGATATTGAAAGACACTTTCGAACCCTATGGGAAAATGCTCAATGTTTCGGATCAGAA
GGGACTT

>trans_s_2531 NM_111674|Arabidopsis thaliana rhomboid protein-related (AT3G07950) mRNA,
complete cds

ACTTACATTTACGTTTCGATCTCCCAAGTTCCCACTTCATCGAAGACCCACTCCCCCCCCCAATTTAATCCAAA
AGTCTCCGGCCAAGCAAAACAGTCCATTTTTAGCTCGCAACTCCGATCACCGTCTCCACCGTTCACCGTGTCCG
CCCATGAGTACTCCAGCAGTTCGGGGGGCTCGGGTTCGTTTACTGGATTCACCAAGCTATGCAAGGGCTTAG
CCGTTGTGCTAATTGGCGGGCATATCTTGTTTACGCTTTTTCTGCGGTTGTTAACTATCTTGCTCTTATTCCAG
CCAGGACAATACCTTTGCTGGAATCTCCTAAGTCTGCTGTTATATTGAACAGTCAATATATGGGGTTGTTGTC
AGCACAGTTGGCCTCCTGTTTGTGAAAGCTGCTTGAACCCATATGGGGATCTAGAGAATTTTTGAAATTCAT
CTTTGTAGTCAATTTTCTAACTTCCTTATGTGTCTTTATCACAGCAATTGCCCTGTACTATATTACACAGGAGGA
AAGTTATCTTTATTTGCCTGTATCTGGTTTCTATGGGATCCTGGCTGGATTCTTGGTTGGGATCAAACAAATGA
TACCTGATCAAGAGTTGCCAGTATTGAACTAAAAGCTAAGTGGTTGCCATCTGTTGCTGTTTTGGTATCCATT
GCCATAAGCTTTTGGACAACAGGAGCAGCAACATATCTCCCCACAATAATTTGGGACATACATCAACTGGA
TTTTATCTGAGATACTGGCAGAAGAACTGAAGCAAACTGAAAGGCGATCCTAAGTGATGATTTTGC GTTC
CCTACATTCTCCCTGAACCTTTACGGCCAGGCATTGATCCAATTGCATCAATATTTTCATCCGAATGCTTTTGGG
GAA

>trans_s_2532 AY063790|Arabidopsis thaliana At1g48450 mRNA sequence

TTTGTTCCGACGTCAGACTTGAAATTCAGCTCTCCACGTCTTCTTTATTTCTCCTCATTTCTTCTCTCCGGAACCG
TCCATCCACCACCTTCCTCTAGGGTTTCGCTTATTCTCCGGGCTCGCATGGAAGCTGCCATGGCAACTGTGATT
GGATCTCCTGTTGGAGCCTTTGCTCGCTTAAATTATACTGGAAGATCGGGAATCTTCGGCAATGGACTTGTTTT
TGTCGCTTTCTTCCCTATCGCATGTCCCTATTCGTCTATGCCCTCAAGTATCTTACTCCAACTCTGGAATAAG
AAATTGGGCACTGGAATTAGGAGAAGCACGATAGTTAAGGCATCCATGGATGCAGAGTCATCTGAATCAGGT
GAACCTATTGCTCCCTTCAGTTGGAGTCTCCAATTGGGCAGTTTTTGACCCAGATCTTGGTTAGCCATCCCCAT
CTTGTTCTGCTGCTGTTGAGCAACAGCTTGACCAGCTTCAAATGACCGGGATGCTGAGGGGAATAACGAG
GCTTCTGGTTCTGGTACTGATTTGGTTTTGTACAGGAGAATTGCTGAGGTCAAGGCAAATGAAAGAAAACAAG

TTTTAGAAGAAATCCTATATGCATTGGTTGTACAGAAATTCATGGATGCTAATGTTCCCCTGATACCTGCAATA
ACCCCTTCATCATCTGATGTTTCTGGCCGAGTCGACACTTGGGCTGCTAATGATGAGAGCCTTGAGCATCTTCA
CTCGCTGAAGCATATGAAATGATTCAGAACCACCTCGCTCTCATCCTCGGGAACAGGGTCGGCGACTCAACC
TCAGTAGTACAAATAAGCAAACCTCAGGGTTGGCCAGGTCTATGCTGCTTCAGTGATGTATGGCTACTTTCTTAA
GCGANG

>trans_s_2533 NM_001069008|Oryza sativa Japonica Group Os08g0556200 (Os08g0556200)
mRNA, complete cds

AAATTCATTCTCGTTCTGCGTGCGACCTCATCTCTCTCACTTATCTTCTCTCCTTCACGATACCTATCCGCCG
CCCCTACAGTCTTGTCCCCGTTACCTCCCACCATCGTCCCCGCCGTGAGCTTCTTCTCTCCGTGCACCGTCCG
AAGAAACCTAGAGGAGTCCGAGCCGCATCCAGCGAAGCCTTCCTGCTGGTTGCGAGCCGGTGTTCTCCATCC
ACCGTCTGTGCTCTGTCCGTGCAACTCCAAGCGCAGCCGCTCGCCGTCGTGACCCATTCTCCATCCTTCGAA
GGCGTCAAGACAGGGATCCGTGGTTTCATCTTCAACCCGAGCCAAGATCTCTGTCAATCTAAGCTGAAACGCT
CGTCAAGCCATCTCTCAGTCCCGAGCCACGCGTGACCGGTAACCTGCCGTCCGAGCCGATCGTTCTTCTCCTT
TAGCCGCGCGCGCCGAGTTGCTTTCCAAGCCGAGCCGCCAGCTAGTCTCTTACCTTGTTCTTCAACCATTTAA
GCTCTTTGTGGTTATATGGCTGATGATAAAGTTGACATTATTAGGCCCTTAGTAGAAGCAAGTACAAACAGTTT
TAAGATAGAAAAAGCGGATAGACTCATATTAAGGGGTTTAAAGTTTACGTTATCATGGAGTACATCTTCAA
GAAAAGGAAACGGGACAAACTTTTTTGGTGGATGTGGATGCTTGGTTGGATCTCCGGGCAGCTGGAAAATCT
GACGACTTGAGTGATACTGTAAGCTACACAGCAATTTATCGCATAGCAAAGGAAAGTATGACTGGGACATCA
CATGATCTTCTGGAAATCACTGCGGAGGAAATTTNCTCAAAAATTATGATTCATTACGACCGAGTAACTGCAG
TTAGAGTAAA

>trans_s_2534 AB041352|Nicotiana tabacum cig3 mRNA, complete cds

AATATTAACACCCTCCATTGGCAAACAATTCAGACGACTGCATCCAAATGGCCACTTGAACAAGAAGCTTGTCT
TGTTGACAGCTTGCAAAGTTTGAGGTTATTGGAGAATGGGAATGGGATGAAAAGTATCTTCAGAAATGATGT
AACCATGTTCAATCCTGCAGCTCACATGATGCCTATCAAGCAAGCTGTTAATAATGATGTTTTTTACAGTGACA
AAAAGCCCATAGGAGCTCTGTACAATCTAGGAATGATGTGCCTGCCTCCTTTGGAGGCATCATTGACCCAAT
GACTACAGGTGTATTTTCTAGCCTTCAAACAGGGTTGAGGAAAAACCCAGTTGGTCGACCAGTTAGGCATCTT
GGACCTCCTCCTGGATTCAACCATGTTCCAACCTAAGCATGCTAATGAATCCCTCCTGGTTCGGAGTTTAGAAG
TGAGAATCAGATGATGGATGATTATAGCTGGTTGGATGGATATCAGCTGCCCTCTTCTACAAAAGACTCTGCT
AATGCTGTGCATCTCACCTCTCATATGACTGCTCAGCAAATTTGGTGTTAGTAATATGTTGAGTGCAACAATCAA
CTCCCCTTTTCTTGAAAACAAGTTCCAAATGTGCACTCTCCAATAGGAAAACAGAAAGGCTGGCCTGATTTTC
AGGTGCTTGAGCAGCTAAGACAACACAATGAACAACATTTGCAGCCTCATCAACAGCTTGTGAATGGTGGTAA
CCAACACTTTAGTTCGCTGCCTGAGCAATATCCAGGGCAGTCTATATGGACAGGTCGTTACTTCATGTGATGTC
AGTATGAGAGTATAGATGGTCCTTGGGAGTGTAATGGGTGATTGTACCACATCCTGGTGCCAAATTGACTCC
ACCTTTGCTGCT

>trans_s_2535 NM_112563|Arabidopsis thaliana zinc finger (GATA type) family protein
(AT3G16870) mRNA, complete cds

AGAGAAAGATGTAGCTAGGGTTTCCCTCCCCCCCCACCCCCTTCTTCTCTTCTCTCTCTGCTTGATATA
TTTAAGATTGGGATTTTCAGATCCGCTTGCGGCCACTGCATTTGTGTCGGTTTGATTGAGATTCCCATTTTCATC
ATTCTTCTTTCTTTCTCCCTCTCCCTCTCTTCATTTTCTTTCAATCTTCTTTTCCCTCGGTTTTCTTAATACCCA
ACCCCTTCTTTCTTCACTTCATTCCCTCTTTCTTTAATCTTATCTTTCTTATCCCTTTTCTTTCCACCATTGA
TTTCCTCATCTACGTTTCATCCATTTCTTCTTCTTCTTCCGTCTCAGATCCCTTTTCTTCTTGATCTCCTTTC

CCCACTGTCTTCCTCTGTTTCTGATCCAGGGTTTCCCACTTACTTACTCTTTGGTTCTCTGCTCTCTGATCCTTTCA
CTCTCCACCCACTTCGAGTTTTGGGTTTTTGAATCTGGGTTTCTCTTAGATCTCTTTAGTAGTGGGTGTATCAT
GATGGATCCGAGTGATAGAGGATCGGAATCGGAGGACATGTCCGGAAGAACTCTAGTGGGGTTTCGTCGG
AGGAGAGTCAAGTGAATGAGCAGAACAAGAAGACTTGTGCTGACTGTGGTACTTCGAAAACCCCTTTATGGA
GAGGCGGTCCGGCTGGTCTAAGTCTCTTTGCAATGCGTGTGGGATCAGAAGTAGGAAGAAGAGAAGAGCG
ATTTTAGGGTTGAGCAAAGGAGTCGTTGAAGATAAGAAGACAAAAAGAGCAGTAATATTAGTAGTAATAGT
AAGTTGAGAGATAGTTTGAAAAAAGGCTTTTGGCTTTGGGTAGAGAAGTTTTGATGCAGAGATCTAC

>trans_s_2536 FJ906832|Jatropha curcas actin-depolymerizing factor 6 mRNA, complete cds

ATCTTCTGTCTTGGCCTCCGATTCTTGCCTACCATTCTGACCTTTCTCTTATTCCATCCTTCTTCTTCTTCTTCT
TTCTTCTTCTTCTTCTTCTTTATTTTCTCAACTTTTACTCATCCCCTTTCTCACATCCACCTCTTCTCCGATCATCAT
GTCGTTGAGAGGCTCCGACGGCAAAACACTTTATCTGCAATGGGTGTGAATGAACACACCAAGAAAACATTC
TCTGAACTACAAAGAAAGAAAATGTATCGATATGTGATCTTTAAGGTTGATGAAAAGAAAAGAGAGGTGGTG
GTTGACAAGATTGGCAATCCTGCAGAGAGCTACGAAGATTTCACTGCTGCTCTGCCCCGACAATGATTGCCGCT
ATGCTGTTTATGATTTGATTTGATGACATCTGACAATTGTCAGAAGAGCAAGATATTTTTCATAGCATGGTCT
CCAGCTAGCTCACGAATCCGTGCTAAGATGCTGTATGCAACGTCTAAAGACAACCTTCGGCAGGAGCTCGATG
GCATCCACTATGAAATTCAAGCTACTGACCCTGCAGAGATGGACCTGGAAGTGATCAGAGACCGTGCACAAT
GAACATTCTCTGTTTGTTAATTTGTTGTTCCCTTGGGGAATGCTGATATATGGTGGATCGACATGATGTTGCT
GTCTGGTTGCTATGAATGCTTCGCGAATGAAGATAAGTTTGAATAAAAAATGGCTTAAATCTATCGAACCTT
ATTATCATTGGAAATTTGTTCTATGATGGATCTGCCCCATTGTCTGGTTTTTTTTTTCATTATGCCTTTAGAATTTG
CACTTTATGATGTGAAATGAAGAACATGACTCAGTGTACCGATTATCGAACATAGCATGTCTTGGAGCTGTCTT
T

>trans_s_2537 NM_129272|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family
protein (AT2G37160) mRNA, complete cds

TGGTGTGGCTTTTGATTCATATTGGTCATCACCAACTTCAGACGACACAGAGGAAAATGTTGTTTACCGGTTTG
GTTGAGTTGGTCAGGACACACAATTGCTCTTGTGGGACTTGTCATGGATGAAATTGTGGTTCCCTTCGGCG
GTGCCCTCCCGGTGGATCCCCGACGTTTAGCACTGGAAGCCAGTCAGCTCATTGGGATAGCATTACCCCATTA
GGCACTCTTCAACCTGCTCCATGCATGAGGGATGTTCTAACTTTCTCCAGTAGTAGCTACCCGTGTCCATAC
CGAACCTTGTCTGGCTTACTATTACCCAAGAGTCTATCCTCACAGCATGCCGAGAAGGACATGTGAAGATTT
GGATGAGACCGTCCTCTGAAACACAGTCGAGCAACTCGGAAGCCCTCGTCGGTTCTAGCTCGTTGGCAGGTTT
CAGAGTTGGCTCATCTACTTTGAAATAGTGTGGCGAAATGCAGTTTCAACATACCGGGATCTCGCTTGATCAT
GATTATGCCGTTCCACCCAGTTGGGTCCTGCTATTTGGCGAATGGTGACGGGACAGTTTTTCTTTTGGAGTCT
TCCTTATTCTCTAGAGATTAGGAAAGAGTATTACGTTTGGTCAGCATATTGACTCGCTGCGAATTTGCAGTGGG
ATTAACCAATGGCTCTGCTTATAAACTCTTGTGTTGACATATAATATGCCATAGTAAATGCACAGGCTATTG
TTACACATCGCGGAACGTAACATAACTCATCGATTAATAGGCAGGGGGGAAGATGACAAAAAGTAAGTTTA
TTGAGAGAAGACGAAAGGTATATCAGTGCCTAGTTAATAATCATTTTATGCCATGGAATTGCCTCTAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_2538 X67310|S.tuberosum mRNA for beta-isopropylmalate dehydrogenase

ATTTGTTATTTAACAAAACATTTTTGGTTAAGACATTCTTTGATTATTTTTCTTCAATTCTTCGTCGTCAATCAT
GGCTTCGAGCTCCTCAAACGCGCCCTTAGAAGCCAATCGGGTCAGATCTTCTCCCTTTCTTCAACCTTACCTC
TTCCTCTCCCTCCCGTTTAGGGCTTTTTCTTCGCAACTACTCCGATCCGAGCCACTCTTCCCCGGCGATGGT
ATTGGTCCCGAAATTGCGGCGTCCGTCAAACAGGTGTTTAGAACTGCTGATGTGCCCATCGAATGGGAAGAA

CACTACGTTGGGGATGAAATAGATCCTCGAACTCAAAGTTTCCTCACATGGGAAAGCTTAGAATCAGTGAGAC
GTAATGGTGTGGGTTTGAAAGGACCCATGGCCACACCAATTGGAAAAGGCCATCGTTCCTTTAAACCTTACCTT
GAGAAAGGAACTTAATTTATATGCTAATGTGAGGCCTTGCTACAGCCTACCTGGTTATAAACTCGATATGAT
AATGTAAATCTTATCACCATCCGTGAGAACACAGAAGGGGAGTACAGTGGACTTGAACATCAAGTGGTGAGA
GGTGTGGTTGAAAGCCTTAAGATCATTACCCGTCAAGCAAGTTTACCGGTGGCAGAATATGCTTTTCACTATG
CCAAAACCTCATGGGAGGGAGAGAGTCTCTGCAATTCACAAAACCAATAATATGCAGAAAACCTGATGGTCTTTT
TCTCAAGTGTTGTGCGAGAAGTTGCAAAGAAGTATCCTGAGATAAAGTATGAGGAAGTTGTCAATTGATAACTGC
TGTATGATGCTTGTGAAGAATCCAGCACTCTTTGATGTATTGGGTATGCCGAATCTTTATGGTGACATTATTAG
TGATCTCT

>trans_s_2539 AF370605|Arabidopsis thaliana axi 1 protein-like protein (At2g44500; F4I1.31)
mRNA, complete cds

TGTGTTTTGTTTGATGGTTGCAGTGAGTTTTCTGATATATTTGATTTGGAGCATTTCAAGAATGTTCTGGCGGA
TGACGTTTCATATAGTGTCATCTTTGCCATCTACGCATCTGATGACTCGGCCAGTGGAGGAAAAATCCCCCTCCC
ATCACGTCTCGCCGAGTTGGATTCGGTCGCGTTACCTCAGGAAGCTTAGAAGAGAAGGGGTACTCCTGCTGC
GCGGCTTGGACTCGAGGCTTTCTAAGGATCTTCCTTCTGACCTTCAAAGCTCAGATGCAAGGTTGCTTTTCAT
GCTTTGAGGTTTGCTCCACCAATTGTGGAACCTGGTAACAAGCTCACTGAGAGAATGCGGAGCAAAGGACCA
TACCTTGCTCTTCATTTACGAATGGAGAAGGACGTATGGGTGAGAACTGGTTGTCTACCTGGGTTGAGCCCTG
AATATGATGAGATGATAAATAACGAAAGAATTGGAAGACCTGAACTCTTAAGTCTAGATCGAACATGAGCTA
CCACGATAGAAAACCTGGCAGGCCCTTTGTCCCCTGAATGCCTATGAGGTTATGAGGTTACTGAAAGCTCTCGGA
GCTCCGAGGGACACAAGGATTTACTGGGCTGGAGGTCAACCACTCGGAGGAAAAGAAGCCCTGCAACCATT
ACAGGGGAGTTCCCAAATTTCTACAACAAGGAAGATCTTGCTTTACCAAGTGAACCTCGAGCCTTTTGCGAAAA
AAGCTTCCATTATGGCTGCTATTGACTATATTGTTTGTGAGAGTAGTGATGTTTTCATGCCTTCTCATGGAGGA
AATATGGGCCATGCCATTCAGGGACATAGGGCTTATGCTGGACATAAGAGGTACATAACACCAAACAAAAGG
CACATGCTTCCCCTT

>trans_s_2540 BT015868|Arabidopsis thaliana At3g15000 mRNA, complete cds

CCAAAACCATCACCTTTGTATCTTCTCTTCATCCTTAATAATCCCATGGCCACCCTCTTCTCACGCTCTCTCCCTA
AAACCCTAATTTTGGGTTCTACATTCTCACGTTCTTCTCTTGCTGCCACCGGAGCCGCCGTATCAGCCTCTTCTC
GCTCATCTTTCTCCCTTCTGCGCCGCTCCGTCCTCGCTGCTATAATCGCCGCTGATTCGGGTTTCTCTCTTC
TGCCACGAGCGTGAGGTACTTCTCTACGTCTGAAGATCCGAAACACTAATGGCCACCCACATTTTCGGATGA
TGGCTGTGATTTCAAACACTGGCTCGTTGTATGGATTGCGAGGGGCTGAACTCACAAGGGATGAGATGATC
AACATCTATATCAAAACCCTTGCCATGGTTGTTGGGAGTGAGGAAGAAGCTAGGATGAAGATGTACTCTGTTT
CAACTAAATCTTCTTTTCATTTGGGTGCCTTGTTTCTGAAAACTTTCTCACAAAATCAAAGAGCTGCCTAAAG
TTCTTTGGGTCATACCTGATAGCTACACTGATATTGAAAGCAAAAATTATGGAGGGGAGCCCTTTATAAACGG
ACAAGCTGTTCCATATGACCCTAAGTACCATCGGTCCTACTATGAACGAAATAATAGACAGCCATGCATAACAT
GTAAGCGGCGATTGCGATGAGTTGGACTTTCACAAATTAGACTTTGGACAGAAGGAGTTAGACTAAACAGAT
GTTAGACTAAACAGATGGCAGACTTTTAAATATCGCATATTCTCAGTAGCTAATTTTATTTTCTTTTCTTTTCT
TTTTGGTTTTACTATAGCTCTTTTATTATGGGATGAAATTTCTATTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_2541 NM_105817|Arabidopsis thaliana nuclear transport factor 2 (NTF2) family protein
(AT1G71480) mRNA, complete cds

ATCACCCAATTTACCATTTTTGTGGAGCGAAATAGAAGTCGACGAGTGGCTACATTTCAAGTGAAGAGACGG
CGGCGCTGATGAACTCGATTCTATCATCTTCATCCCCATCCCTTCCCATTTTCAACCACAAAAAATCTCCTCCTCC
ATTTCCAATTTCCCATTTCTTTCACTTCTCCTTCGATTCCCAGACCCACACACTATTCCCCTCTTCGCGTCTCATCTT
CTTCTCCGACAACCCGGCCGTCACCGTTCCATCTCCACCCACCGACGCCCTCTCGACACCCTCCGATCCGCTT
CTCATGTCGTAAGGGAATTTACGACGGAGTCAACCGCCATGACCTCGCCTCCGTCGAACCCCTCATTGCTGA
GAATTGCGTTTACGAGGACCTCGTCTTTCCCGCCCTTTCGTGGTTCGGAAGGACATTCTTCTTTCTTCAAAAA
GTTTAACGATTCCATCAGTAAGGATCTTCAGTTTGTTATTGATGATATATCCACCGAAGACTCATCAGCTCTGG
GTGTACTTTGGCATTTAGAATGGAAAGGGAAAGAGTTTCCTTTTAGTAAGGGATGCAGCTTTTATCGTTTGGC
TGATGTTGATGGCAAGAAACAAATTATCTATGCAAGAGACAGCGTTGAGCCTGCATTCAAGCCTGGGGAGAT
GGCTTTGACAGCCATAAGAGGTGTAAGTTGGCTTCTGGAACAATCCCTCAGCTAGCAGATCGGATATAATCC
CCACTTTCTCACACTAGGAAGAATTTACTAATGTATAAGATCCAATATTCTTTTAATATAAATGTATATTTTACTA
TAGATCAAATTGTATAAATTCTTATAAGCTACCAGATCCAAAAAGTTTCCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_2542 XM_002869038|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L11 family
protein, mRNA

ATTCTATTTACAGGGAAAGGAAGTTCCGGCGAACAGCTATGGCCACCTTGAAAGAGATTCTCACCAGACGAC
CCGTCTCTGCCACCATCAGGCTCACCGTCCCTGCCGGTGGAGCTCGCCCTGCGCCACCGGTGGGTCCAGCGCT
GGGTCAATACCGGCTGAATCTGATGGCTTTCTGCAAGGATTTCATGCCCGGACTCAAAGTACAAACCTGAC
ACACCCATGGCCGTAACCATTACAGCTTCAAGGACAACACCTTCGAGTTCACCGTCAAATCACCGTCAGTCAC
TTGGTACTTGAAGAAAGCTGCCGGGATCGAATCTGGGAGCAGCCGCCAGGCCACGTAGTCGCCTCCACGCT
CTCAGTCAAGCACATTTACGAGATCGCCAAAGTCAAGCAATCTGATCCTTATTGCCAGTACATGCCACTAGAAT
CCATTTGTAAGTCCATTATCGGCACTGCCAATAGCATGGGAATTAAAGTCCTAAACGAATTAGAGTAATGCAA
CAGCTAAATTTCTAGGGTTTTTTTTCTCTTATTGTTCTTCAGTATCTCGATTTAAATTGAGGGTTTTTTGCAGTG
ACCTACATCTTCTTACTGTGAATCAATGTTATTATCCGTATGCTAAGTCGGCTATCTATTCTGACAGCTTAAG
TTTCTCTAAATTCGTTAGAAATTGAACCAATCCAACGATTTGCTCCTGAATGTCAAGGAAATGGGGCAAGGAT
AATAGCTAAATAAAAGCTATCTTTCATCATTAGAGTTTGCTATGGAACCATGGCCATTCTGTGAGTTGTGAAC
GATTTCATTTTGATGAACCAGTTAGTAATGAACTACCCTCCAATACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_2543 XM_002868345|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA recognition motif-containing
protein, mRNA

TCTTAGTTTCTTTCAAATTTCTCCAAAGCTCCAACCTGTACAACTTCCTCTCTCTTTCTCTCTACAAGAAATTCT
TCGAAATCTTCCATAATTTTCATCAGAGCTATGCAGTCTCAGACTCGGACGGTTCAAGTCAAGCACGTTTCGGA
TCTAGCTACTGAGAGGGAGATTACGAGTTCTTCTCCTTCTCTGGAGAAATTGAGCACATAGAGATTCAATGT
GAACAAGGGGAATCCAAGACTGCGTTTGTTACATTTACAGATCCTAAAGCTCTTGAAATTGCCTTGTTGTTATC
GGGAGCAACGATTGTGGATAAGATCGTGAGCATAACTCCTGCTGAAAATCATGTACCAAGAAGAGAAATACA
GGAAGTACGTGTTGCAGACAATGCTGCATGTCTCACGCCTACAGAAAATAATTCTCCTAGCCGTGAGGATTCT
GCGAGCCAGCCTAGCAGTGGAAAAATGTATGTTAATAGAGCACAGGAAGTAGTCGCAACTGTGCTTGCTAAA
GGTTCAGCAATTGGACAAGACGCCATGAACAAGGCAAAAGCATTGACGAAAAGCACCAGTTAACAGCCAGT
GCATCTGCAAAAGTATTATCCTTCGACAGAAGGGTTGGGCTCACGGAGAAATTAACAGTTGGGATATCAGTG
GTTAACGAGAAAGTCAAGTCTGTGGATCAAAAGCTTCATGTTTCAGATAAAACAATGGCTGCAATCTTTGCAG
CTGAGAGGAAACTCAATGATACAGGCTCTGCTGTCAAAACAAGCAAGTATGAATCATCATTCTTGAGGAAACA

TTCGTTATCTTTTCATTTGCACTGCTCTTTCTTTAGCTCGTCCCTTAAGAAATTTTACTTTCCTTCTGCTATN
CTCAAATTTT

>trans_s_2544 NM_123227|Arabidopsis thaliana APE1 (ACCLIMATION OF PHOTOSYNTHESIS TO
ENVIRONMENT) (APE1) mRNA, complete cds

ATTCTCGTTTCTTTCTAACCAACCGAGCTTAGCTTCGCTTCCTCTCCGTTTCATCAGAGCTTCACAGACTCAACGG
AGAGATTCAATGTCAATCACTGCAATATCTCCAACTCCAGGTCTTTCTACTTCCTCCCATCATCAATTCCTCTCT
CCAATCGCCTTTCCCTTCTCTCTCTCCCTTTCTCTCGTCCTAACCGCCCAATTCCACTTCCCGGCGGTGGCAATTT
CATCGCCAGAACCAACGTTTTGTCCATTTGAAACGAAAACGCTTCTGCACAAGCCTCACCGATTAGCTTTCA
CTTTCTCTACTCGTGCTGCTGATTCTACTCAGCCCTCTGCAGTTTCAGCTTCGCCGGATAAAGCAGTAGTACTG
ACGATGAATTCTCGCTTGCAGAAAGTTTCATTTGGTGTCAATTGGCTTAGGTGTTGGGGTTTCTTTGTTGTCGTAT
GGATTGGTGCATATTTAATATTCTCCCGGGATCTGAATGGTCTGCCATTATGCTAACATATGGCTTCCCTCTT
GCTATTATTGGCATGGCTCTAAAGTATGCTGAACTCAAACAGTGCCATGCTTGACATACTTAGATGCTCAAAA
ACTGAGGGAAACATGCGCCACCCCAATTCTTAAACAGGTAAGAGACGATGTTATTAGGTTTCGTTATGGGGAT
GAACAACACTTGGATGAGGCATTGAAACGGATTTTCCAGTATGGTCTGGCTGGAGGAATTCCTCGACGGAGT
GCACCTATCTTGAAAAGTATACGTGAAGAAGTCACAGAAGATGGGAAGTATTGCCTGGTCTTGGGGGTGCAA
ACCAAAGCCTTGACATTGTCAGATTTTGAGCAAAGACAGGCCAAATTGCTTCTTTCTTTGGACCANGGATAAC
TG

>trans_s_2545 NM_123560|Arabidopsis thaliana binding (AT5G41950) mRNA, complete cds

AGCACGAGAAAAGCAGACAATTGTAAAAACAGCGATCAGTAAGTTCCGTGCTGCTATACAGTTGCAATTTGAT
TTTCATCGAGCAATCTACAACCTTGGCACTGTTCTGTATGGATTAGCTGAGGACACATTAAGGACTGGTGAA
CAGGAAATATTAAAGATGTTTCCCCCAATGAGTTATACAGTCAATCTGCTATTTATATTGCAGCTGCTCATGCTC
TAAAACCAAACACTACTCTGTGTATAGCAGCGCCTTACGGTTGGTCCGTTCCATGCTGCCGTTACCTATCTAAAA
GTCGGATACCTGACTGCACCTCCTGTGGGGAGACCACTTGCTCCTCACAGTGATTGGAAACGTTCACAATTTT
TTCTAAACCATGATGTATTGCAAAAGCTTAACATAGGAGGGGAACAAATACAAACATCCCCTAGTACTTTAGG
AAGATCTGGAAGTACCTTGAATGGCGACAGGACAATCAAAGTAGAAATTCCTGATATTGTCTCTGTATCCGCA
TGTGCCGATCTTACTTTACCACCTGGTGCTGGACTCTGCATTGACACAATCCATGGACCCCATTTTCTTGTTGC
TGACTCATGGGACGCACTCGATGGATGGCTCGATGCAATTAGATTAGTTTACACGATCTACGCTCGAGGCAAG
AACGAGGTTTTGGCTGGCATCATAACAGGTTGATTGATTATTACCAAATACACAAAATGTATCAATGATTCTAT
CTTGATGTCTATATATTATGCTTAATTCACAATAGTAGATGGAGTATTCATTTCTCTAGATTGAAAACACACAAT
TTTGGGGTGCTTTTCCAGTGCTTAAATACATGTTTCTCTAGTCACCTTTCATTTTCAAGTGTAATAATAATTTG
TGCC

>trans_s_2546 XM_002887572|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T4O12.12, mRNA

ACACATAATTTAACATCAAAATATATTTACGATGTCTTTACTTCATCTGACGAAACCTCCTCCTCCTTCTTCT
TCAGTACTGAAACTCAAGGTTTTTCAATGTCTCCTTCTTCCCTTGCTTCTCCAACGCCCTGTTCTGCTGCTACAA
AGAATATTATTCTCCCGTTACTCCGTCCCTGCTGTTTTGTCTTTGGGGATTCAATTGTCGACACTGGCAACA
ACAACAATCTCATTACTCAAGCTAAATGTAATATCCGCCTTATGGTCGGGACTTCGCTGATGGACGCCCAACC
GGCCGATTTTCCAACGGCAGGGTTCCCTCCGATCTAGTAGTTGATGTGCTTGGTATCAAACCACTCTTGCCACC
ATATGCTGACCCCAATCTTCAACTCGAGGACCTGCTACCCGGTGTCAACTTTGCTTCCGGTGGAGCTGGATTCTG
ATCCTCTAACCTCTAAACTAGCGCCAGCAATATCACTTGATGCTCAATTAGCAATGTTTAGAGAATACAGAAAG
AAGATAGAAGGACTAGTAGGAGAAGAAAAGGCAAAATTCATAATAGACAATAGTCTTTTCTTGGTGGTGGCT
GGAAGCAATGACATTGGCAACACATTTTATCTAGCGCGATTTAGACAAGGTCAATACAACATCGATACCTACA

>trans_s_2547 EF532409|Nicotiana tabacum chilling-responsive protein mRNA, complete cds

>trans s_2548_D79217|Cucumis sativus CR20 gene for noncoding RNA

>trans_s_2549 NM_106081|Arabidopsis thaliana glycerophosphoryl diester phosphodiesterase family protein (AT1G74210) mRNA, complete cds

ATATGAAGTCCAAGGAGTTAATATCACTGGTTTTTTTTACCGTTGATTTACATTAAAAGAATTACAGTCATTGA
GGGTGAAGCAAAGATTTCTTACAGAGATCAACAATAATGGAAAGTTTTCTATTACTTTTGAGGACTTC
ATTGCAGTTGCTAGATGCACCCAGAGTTGTTGGAATATACCCCGAGATTAAAAATCCAGTATTTATTAACCA
GCACGTCAAATGGCCAGATGGTAAGATATTTGAGGACAAGTTTGTTGAGATTCTAAAAAATATGGATACCA
GGTTCATATCTGTCAAAAACTGGATGAATCAACCTGTATTCATTCAAGTCATTTGCTCCAACCTCCATCATACAC
ATATCAAATCTAACTGACCTGCCCAAGATCTTACTGATCGATGATACTACAATTCACACAGGACACAAATCA
GTCATATTGGGAAATTATTTGGGATAGCTACTTCAATTACATAAAAAAGTATGTGGTGGGAATTGGACCTTGG

AAGGATACTGTGGTTCCTGCAGTTAACAACCTATATTCTAACACCTACAGATCTTGTTACCCGAGCACACGCCCA
TAACCTACAGGTACATCCATACACTTTCCGAAACCAAGTATAATTTTGTTCACCTTCAACTTTTCATCAAGATCCATA
TGAGGAATTTGATTACTGGATCAACACAATAGGCGTCGACGGCCTCTTCACCGACTTTACGGGTAGTCTACAT
CATTTTAAGAAATGGACCTCTAATCTCCCTCCCAAGGATGATGATGCGGATGAACAGAAGGCCTCTGATTTATT
ACATAAAATCTACTTGATGATAAATCCATATAGAAGTCCTTAGGACAGACCATGTATTTCGGGGTTTGGCTTATG
CTGC

>trans_s_2550 NM_128003|Arabidopsis thaliana DNA repair ATPase-related (AT2G24420) mRNA,
complete cds

AGGAAGGCAAAGTTTGAGGCAGCTTCAAAAATTAAGAGTTGACAGAGGTTTCATGGTGCGTGGCTCCACCT
TGGCTTGCTTCACATTATGACCAGTTTCAGTCTTTGATCAGAACACATTGGAATGAGCATGCAAAACCTGCAAT
TGATGTAGTAATTCAAAAGGCTTCAGATAAGACGGCACAAGCAGCAAAATGGGCCGAACCCCATGTCAAAAC
AGTGAAAATAAAATATATCCCGGTCTGTGAAGGAAAGATGGTTGGTAGTAAAAACAAATGTTAAACCACATAT
CGAGACATTAACCTGCAAAAACCTGTAGAATTTTATCAAACATCAAAGAGTGTGATAACTCCTTATGTAGTTAAAT
CTAAAGAAGCTATTCGTCCGTACTATCTGGAAGGTAAGAAATTCAGCAAGCCATATATTGATCAAGTTGCTAC
CGTTACGAAACCCACGTAGAAAAGGTTAGGGTGGTCTGAAGCCCTATACAAAGAAATTAGTTCGTGGATAT
GGAAAATTTCTAAAATCTGCGGCTGTATATCATCATAAGGTTCAAGGTGCCGTTAAAGAGACTCTCAATAAAC
ATGAATTGACCAAGCCACTCGCGACTAGAGAGTTGGAATGGTTTGCGGCTTCTGCTATATTGGCTCTTCCTATT
ATTTTCTGTTCAATATGATCTCTGCCCTTTCTGGAAGAAAACAAAGAAACCTACTCGAAACACCGTCCACAAT
GCACGTCGTAAGGGTAAAAGAGCGCATTCTGACAAGTAGAGTATGATGTTACTTGTCAAGCTCTTGTGAGATC
ATTTTGAGTTCACACGGAAGCCTTCGTGGTTATTGAGTGTCTCTTGCCATAAACTATTATTTTAAATTTTGT
TCTTTTGAAG

>trans_s_2551 NM_121124|Arabidopsis thaliana CBS domain-containing protein (AT5G10860)
mRNA, complete cds

AGAGTGAGATAAAATCGGGTCTCGCAGTTCCATTCCATCAGCTTCGCTTCCCTTCATTTTCATCTTCATCTTCATC
TTCCTCATCTTCATCTCCATCTTCACCTTCCTTTAGGTTTCATTCTCCTAACCTTCTAACTCTTCCTGCTTCTCAACT
TTCTTCTCAACTCCTTCATTTTTTCTCCGGATCTTCCTCACTCAGGTAAAGATGCAAGGTGCTGTGCGATCATT
TCTATCACATGGAACGTTGTGAAAACCTGCTGTTCTGCAACAAATTCGTGTAGCAAAACCCCATATGAGGCCT
GCAATGCTCTCACGTTTTTCAACATCAGCTAGTTCTGCAACATTGAAGAGCATGGCTTTGAAAGCACTACCAT
TGATGATATCTTGAAAGCTAAAGGCAAAAGTGCCGATGGATCTTGGCTTTGGTGCACCACGGAGGACTCTGTT
TATGATGCTGTTCACTCGATGACTCAGCACAATGTTGGAGCCTTGGTGGTGGTTAAACCTGCGGAGCAAAATT
CAATAGCTGGTATTATAACAGAGAGAGATTATCTGAGAAAGATTATAGTGCAAGGCAGATCTTCGAAGTCTAC
CAAAGTTGGGGATATTATGACTGAGGAGAACAACCTTACTGTGACACCTGACACCAAGGTCTTGCGGGCT
ATGCAACTTATGACTGACAACAGAATCAGGCACATACCCGTCATTGATGACAAGGGCATGAAAGGCATGGTG
TCAATCGGGGATGTTGTTGCGGCTGTGGTGAGCGAGCATAGGGAGGAGCTAGATCGCCTGAATGCTTACATT
CAGGGAGGTTATTAAGTTGGTTCTGCTGACTTTGGTTGCTTGGTGTATGATTGATAAACCAGAGCACTTCAG
CTCTTG

>trans_s_2552 NM_148146|Arabidopsis thaliana AtGDU3 (Arabidopsis thaliana GLUTAMINE
DUMPER 3) (AtGDU3) mRNA, complete cds

AAATTTTAGTTATTCATTTGAAGAGGTTCTCATATAGCCGGTTCATGAAGAACAAGCTAGAGGCATACGTTGA
CTTTCCTGTTGATGATCTGGATTTATCAATGTACATCGCTATAAGAATGGCCAGTCTTGTACTCGATATGTGCT
TTATGCAGTCAGCAATCACTATGGGAGCATGGGAGGTGGCCATTACACTGCATTTGTCCATCAAGGTGGCGAC

CAGTGGTACAACCTTCGATGATAGCAATGTTTATCCCATTTGGCTTAGACAAGATAAAAATCTTCCGCTGCATATGT
TCTTTTCTACAGAAGAGTTGTAGTTTGATAAACTTCCAATTAGCCGAGTCATGATCATTTCTCCAAATTTGATGC
TAATTATCTCTTACCATGAAGATCATCCGTCTCTCTCAATCCAAGTTTAACACACAAGTGGCTCTGAGTATGGA
ACAGAGTTCTCAAACCTTAAAGACGGTCCGCACCGATGCCATCATCTTCATGCTTATATACCAGAGATCACAGA
CAGGTCTTAGGGATACTAATTACATTATTGGCATTACAATCTTTGAAGGAAAGGCATTAGCGTACGATTCAA
GCCTAACTCTTTTGAAGATTTTATAGGGGTACCAACAAGTTAGGATATTGATTTTTTTTTCTTTCTATAGGAAA
TTCCTGAATATTTTCATTTTGGTTAAGATTGATGTGCTGTGATTCTTTTGTAGTACTAATTGATAGATTTTGATCC
CATTTTTTGTTCCTAAAATCATTGTATTAATTTTAACTGGGTAGCGTGAGATCCCCAAAATAACAACGAGC
ACCTGCGCCGCCGTGACAGCTAGTAATGTGATTCTTGAGGTAATATGAATGAATTATCATGATATTGGCTTT

>trans_s_2553 AB104613|Daucus carota C-HAP5B mRNA for CCAAT-box binding factor HAP5
homolog, complete cds

AATTACAATATTCTAATCCTTACCAAACAGCTCCGATGGGGGCTTCCGGAACCTCTGCTATTACAATCCCCCA
ACTCAGCCACCATCCAGTTTCTCCAATTCTCCACACCAGCTTGCCTACCAGCAGGCTCAACACTTCCACCACCAG
CAGCAGCAGCAACAACAACAACAGCTCCAAATGTTTTGGGCAAACCAAATGCAAGAGATTGAACAAACAAC
GACTTTAAGAACCATAGTCTCCCTCTTGCTCGAATCAAGAAAATAATGAAAGCAGATGAAAACGTCCAAATGA
TTTCCGCTGAAGCACCGGTTATATTTGCAAAAGCATGTGAAATGTTTCATCTTGAGTTGACTCTGCGATCATGG
ATTCACACAGAAGAGAACAAGGAGAACTTTACAGAAGAACGATATTGCAGCTGCAATTTCAAGGACAGAT
GTCTTTGATTTCTTGTTGATATTATCCAAGAGATGAACTGAAAGAGGAAGGTCTTGGAAATCACAAAAGCCT
CCCTTCCCGTAGTTGGTTCCCAGCTGATCTTCTTATTACTATGTTCCATCCCAGCATCCGGTGGGTGCTACAG
GAATGATAATGGGGAAGCAATTAGATCAAGCGAACATGTATGGTGCCACTGCACAACAGCCCCGACCATCGA
TGCCTTTCATGCCATGGCTCGCATACCCAACCACAGCAGCAACAACAACCTCAGCAGCAAAGTGATGGATAGT
TATAAGTAGTAGGTGGTTTCAAACCGTCATGATATGATTTGATAGAGGCGATACTGAGTGACTTTGAATGTG
TCTACTGTCTAGTTTAGTTTATAAAGAATAGCTCTTGTAGAGAACTTGTAATGATGACAAGTTGGAGTTGAG
TTTGTATGATG

>trans_s_2554 AY043232|Vitis vinifera pectin methylesterase mRNA, complete cds

TCGAGAATACTGCAGGAGCAGAGAAACATCAAGCAGTGGCACTTAGATCGGACTCCGATCTGTCAGTATTTTT
TAGATGCCGAATTAGAGGCTACCAAGACACGCTGTATACGCACACCATGCGCCAATTTACCGCGAGTGCCAA
ATCAGTGGGACCGTTGATTTTCTTTTCGGCGATGCCACCGTCGTTTTTCAAACCTGCAGCATCCTGGCGAAGAA
GGGTCTTCCCAACCAGAAAAACACCATCACTGCTCAGGGCCGAAAGACCCGAACCAACCCACCGGCTTCTCC
ATTCAATTCTGCAACATATCTGCGGATTCAGACCTTAAACCTCGGTTAACTACTGCTACGTACCTTGGAAG
ACCATGGAAGGAATATTCCAGAACCATTATCATGCAGTCATACATCAGCGACGCCATTAGGCCAGAAGGTTGG
CTTGAGTGGAACGGCAATTTTGATTGAATACACTATTCTACGCTGAGTTTATGAATTACGGGCGGGGGCGG
GATTGGCCAAGCGTGTCAATTGGCCCGGTTACCACCGACTGAATCAAACCAAGTGAAGCCACTAATTACCGT
GGCTCAATTCATTGAAGGAAACATGTGGCTACCGTCCACGGGTGTCAAATACACTGCAGGACTGGGAGCTAA
TTAGTAAATCAACAATATGTGGTGCATTGATGCTCGCTCCTATATATCTCACTTTCAAATATACATAAAAATGA
ATTAACATTCAAAAAAATCCCTTGCCGTAGTTTAGATGATACAATTTGGTGGACCCAGAAAGATCCTTTCTA
GATATTTTTGGTGTGTGAATTAATAATTTTTAAGAAACCCCTAATCCCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_2555 D26092|Glycine max SUB1-2 gene for ubiquitin, complete cds

CGGTGGGATGCAAATATTTGTGAAGACCTTACTGGCAAACCATCACTCTTGAGGTGGAGAGTTCTGATACC
ATTGACAATGTCAAGGCTAAAATACAAGACAAGGAAGGTATTCCACCTGACCAACAGAGACTTATTTTTGCTG

>trans_s_2556 AF079872|Nicotiana tabacum cyclic nucleotide-gated calmodulin-binding ion channel (CBP4) mRNA, complete cds

>trans_s_2557 EU373014|Gossypium hirsutum gland development related protein 22-like mRNA,
complete sequence

>trans_s_2558 NM_001053125|Oryza sativa Japonica Group Os02g0290400 (Os02g0290400)
mRNA, complete cds

TGAAGGAAGTTCCTGCTCGGACGAACCATGGTTCGACCATTTCGCGCGAAGGGGAAGAAGAGAAAAGAAGGC
GGAGAAATACGACAGAGACGAAGATGGCGAGGAATCCTCCTCCTGCCAAGAAAGTTATGGTGGAGAATG
AACCTGATGAAGAACCACCCAAGGAGGACTTCCATGAACCTGAAGGTATTCCTATTGTTCCGAAAGACCCAA
GACTGATAACAATGCTGGTGTCTATCTTCATCCTCGAAAGAGCTTCTCTGGAAGTTGCCAAAGTTGGGAAGAAT
TACCAGCTGTTGAATTCTGATGACCACTCCAATTATTTGCGGAGGAATAATAGAAATCCGGGGGATTATAGAC
CTGATATCTTGCATCAAGCTCTTTTGGCGATTTTCGATAGCCGAATTGCAAAGGCTGGGAGATTGAAAGTTGTT
TATGTGAAAACCTGAGAAAGGTTTTATTAATTGAAATTAACCGTACGTTTCGTCTTCCAAGGACGCAGAAACGAT
TTTATGGAGTTATGTTGCAATTGCTACAAAAGTTAAGCATCACAGCTGCGGGTAAGCGTGAGAACTCTTTCG
GGTGATAAAGAACCCTGTAACCTCAGTACTTACCTGCCAATTGTCGTAAAATGGGTTTCTCTCATAGTTCCGATA
AGTTGGTCAAGATGCGAAATTATCTGGATGCTGTCAAAGATGACGTAGATCTTGTTTTGTGGTGGGTGCAAT
GGCTCATGGGAAAATCGAGACTGATTACACCGATGATCTATTAGCAATTTCTGAATATCCTCTTAGTGCTAGTT
GCTGTATTGCGGATATTTGCAAAGATTTGGCAGAGAAATGGAATGTAGGGTGAACCTCTGCTTTACTCTCCCT
TTCCATTAAGCATC

>trans_s_2559 NM_001067706|Oryza sativa Japonica Group Os08g0191600 (Os08g0191600)
mRNA, complete cds

GAAGTCTTCTCTCCTTTATTTACATTCATATCTCACACCTTCATTTCTCTTCTTTTCGTTTAATTACCTTTCCCA
ATCGGTTTTCTAGGCACTGATTGCATCGTTTCTGCCTCGAAAACATTTGAGATTCCCCATGGCGAAAAGCTCCT
TCAAGCTCGAACATCCCCTAGAAAGGAGACAAGCTGAAGCTGCTCGCATCAGGGAGAAATACCCAGATAGAA
TTCCCGTGATTGTGGAGAAAGCTGAAAGGAGTGATATTCCTGACATAGATAAGAAGAAGTACCTTGTCCCTGC
TGATCTGACTGTTGGGCAGTTTGTATGTTGTCCGAAAAGGATTAAGCTTAGTTCCGAGAAGGCTATTTTCA
TCTTTATAAAAAACACACTACCTCCAACCTGCTGCTTTGATGTCATCAATCTATGAAGAAAACAAGGATGAAGAT
GGTTTTCTTTACATGACTTACAGTGGAGAGAACACGTTTGGGTTCTGATTGCTTCAAATCAAAGGTCCTTTGTA
AATAGAACCTTAATAAGCTGTAAATCCACTCCCACTCAATTCTCTTAGCAACTGTCTATTTCTGGTTTACCTTA
GGCCTTCTTTCTTTTCTGTTAGTGTTATGTGTTATTGTCATTAAGGATTTCACTAAGTTCGTTTCTGAATTC
GATGGTGTTCTCTCTGCCCCAACAGAAAAGAAAAGTGGGTGTTTGTAGTGAGAACCCATGATTTTCGACTT
CCTATTTCCAATTTATGTTCTATGCCATGGTAACATCAGATATTTCTTGCAATTTCTATTTACGATTCATCGTCTT
GTAATTCATGCAAATTGGAACAGTGAAAAAATTATCAAATCTAATAGCTCACTAGTCGGCATCTTTG

>trans_s_2560 NM_001072924|Oryza sativa Japonica Group Os12g0209100 (Os12g0209100)
mRNA, complete cds

AAGAAGAGATTAGCTGAAGGAATCTCTCTCCAGTTTCATCTTGATCGTATCATCTGATTACTGGTATCTAATCA
CAATCCAAGAAGGAGGGAGCTATGTCCTTCATGAAAGGAGACTTGCTAACTAAGACTAGAAAGCTCGTCAAG
GGCTTGGCCAAAGCAGAACCTGTTTGGCTCAAAGCCATGGAGCAGGCGCCACCTCTACATTTCCCCGAGTAG
ATGGAAAAGTTCAGAAAATCACTCTTCCCGAGGATGTATATGTAAAAAAGTTCTTCCAGAAACATCCAGACTC
AGCATACCACGATGCCATCAAGTTCTTGGACTTTAATCCTGTTCCAGCCCGAATATTTGCCTGGCGGGTGCTTG
AACTGAAGGAACAAGGTGTCAGTGAGGAGGAAGCCATGGCAGCAGCCAATATGGAATACCGGGCAGAGAA
AAAGATGAAAAAGAAGGCGTACTCTCGCTTGAAGCAAATTGCACGTCTTCAAGGGAAGAAACCTCCTCTAAC
CCTTTTCCAAGTGCTATAAAGCAGATACAAGCCGAGGAAAGGAAATACGTCCGGGATCGTTTCTTCAATCCCA
AGATTAAAGAGATTGCACAAAGGTTGAAGGAGGAGAAAGCAGCTGAAATGCAGGAAAGAAAGCGAGGCGG
CTGGTGATGGAATATTCATTCTCCCATCCCTGCTTCTGGAAACTAGCTTTTGCAATAATTTTGACAGTTCAGTA
ATTGAGAATATTGTTAGATTCAAGCGAACACCATATCTGAAGCATTGGTTCAAGTATGTTAAAAGATTTTCCTT
TTGAAGGTATTCAATTATTTCGATGGGTGACCTCTCTGAAGGTGGCAAGCCAATGCGCACCTTGATAAAATGT
CGATNCACTTTTAAT

>trans_s_2561 XM_002862983|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT5g56980/MHM17_10, mRNA

ATTCTCATTACATAACATCCTCTCCCCTTCTCCTCCAACCTCTTACTCCCCTTCTATAAACTCTCTACCTCTACTATCA
TAGTTGTTTCGTGTTCCACCGTTACGACTTTGCCATGTTGACTTCCCTCACCACATGGATCACTCCCCTTCCCTCT
TCATCTTCATCAACCTTGTATCGCCACCATCGCCCTCACTTCCCGCTTCACTGCCGATAAATCCCGCCACCATCT
CCACACCGGCTCCCCCTCTTACGCCCTCCCTCTTCTCTAGACAGAGTCAAGTCTTCAACTTCACCCTCCACGA
CTCCAATACTATCCCAACCCGTACCCTGGTCGAACTCCGTGATGTTGGATCGGCTCAAATCCATCACCATCA
ACCGATCTGATTCAATCCGCCAACCGGAACCTCCGCAGCCAGCGGCAGAGACCGTAGTACAACTCCGGAGG
AAATCCACCAGGACCATTCCGTGAGCCGGAGTAAATCTGAAACCGTAACTCTCACTCCGGCGACGAGCTTACG
GCGGCGATTACAGAAATCGTTGAGCGAGAAGCTCTCGTGGGTGTCGTCACGACGGGGCAGAGTGAAACAG
AGGAACTAGTGAATGAAATCGAACGGCGGCGTCCAGCGACGGTGAGAGCGGAGGAGCCAGAAACGAAGGA
AGGCGGGGAGGAGGAGGTGGATTCAAGAGCTGATGATTTATAAACAAGTTCAAACAGCAGCTGAAGTTGC
AAAGGTTGGAATCTCTGTTGCGTTACAGAGACATGGTTACAGGGAAAAAATGAAAAGGTTTTTCTACTTCGT
CTTCTTCTCTCAACTCTGATCCCATCTGCTTCCACTGTTCTGAATTTATAGAATCTTGTGTTTTTAACTT
GGAT

>trans_s_2562 AY054243|Arabidopsis thaliana AT4g22740/T12H17_130 mRNA, complete cds

GCTTTTCATTTTCTGATTGGTGAGTCTCCGAACGGTTCAATCTTCCCCCTCCCTTAATCCGTATTACCGGAAA
TTTCTTCAAGCGATCGTGATTGAATTATTCAGCTCAGCGGAGTAATCCTCTTGAATTTTCGCCAATTTCTCCTC
TGTATCTTGTTGCTGAAGGGTATTTTGTTCCTGTGAATTGTAACGATGCATAGAAGGAGCAGAGGGGGAAAG
GGATGAATTTTTGATTTGGTGACCTTTTGCTGGGTTTGGAGGCTTCCGGGTCAAAGAAGCTTAATTTCTG
GTTTCTTGGTGGAAGGGATCCATTTGATGATCCTTTTTTCAGAAATCCATTTGGAAGTATGTTTCGAGCCGAGC
TTCTTGGTGCTCTGGAATTCCTTTGCAATATGCAACCATCTGGATTCTTGATCATTACAGACCCCTGAGCC
AAAAAGACCAAAGGGTCCAATTATTGAGGAATTAAATTCAGATGATGAAGAACGATCAGGAAAAGAGAGCA
GAAATCGTAAGAATTCATCCAAAAGCCTCTTGTGAAGACCTGATGATGAAGAGAATAGGAACCAAGCTTT
GCAGCTCATGGATCATCGTGGTGACAAAATCACAGGCATATCCAGCCCCAACTAGTAGCTTCACATTTAG
AGCTCCTCTGTAACCTATGGAGGCTCAAATGGGACATATTATACTTCATCAAGAACAAGGAGGGCAGGGAGT
GATGGTGTTGCTTTGAAGAAAGCAAGGAGGCTGATACGGCAACCAGACAAGCAACTCATAGAGTTTCAAGG
GGAATTCATACTAAGGGTCATTAGTCACAAGGAACTGAATCCTGATGGTAAAGTGGATGTTGCATGGGTG
CCACATAACT

>trans_s_2563 AB441167|Fagus crenata CP12 mRNA for chloroplast protein 12, complete cds

CGAGTTTGTTTCAATCTTCTACTCCTTTGTTTTTCTTTGTTCAATTTTTGGACCTTTGATGAAATATCTTCAT
AACTCCTATGACGTGGGCACCATCCATTGGTTGTCATTTGATAAGAAATATGTGTCAATGGCACAATCCCATT
CCATTTATATATTATATAGTTCTAAAGCCATATCCCCATGATTTATATCCTTCTTCAAGCTCACAATTGAACTTT
AACATTACTTCTTCCCTACACAAAGATATGGCTACCATTTCCGGAGTGAACATCTCAAGTCCAAGAATCTTGGC
CAAGGCAGCCCAGACACCTAAAGTACAGCCTCTCAATGTTGGGTGGCTCCGCTGCTCGTGGAAGCAATCGGC
CCGAGTTGGAGCCATAAGGTTGAGAGTCCCACCGTTTCATGCTGCACCGGATAAGATATCGGATAAGGTAGA
AGAGAGCATAAAAAATGCGGAGGAGGCTTGTGCAGGTGACCCCGTGAGTGGCGAGTGTGCTGCAGCGTGGG
ACGAAGTTGAGGAATTAAGCGCAGCAGCAAGCCATGCTCGTGACAGAAAGAAGGAATCGGATCCATTGGAA
AACTATTGCAAGGACAACCCAGAGACTGAGGAATGTCGCACCTACGACAACCTGAGTAATGAAATGATATTAA
GTTTTAGACATTTTATTTTCTACATATTGATTTGAATTAAGTTATTGGATGACATATCGTTGTGTAACTTTTT
AAAGTTGTTGATTTTACAAAAGTTGCATGAAATGGCCATAAACTTGTCTTAGTTAAAAGCTTTAGATATTATCT
AATGTATTAATCAAGTAAAAATATTGCACTCTTATAGATTAATCTTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_2564 XM_002884924|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MAPKKK7, mRNA

ATTGCGCAAACGTTCTGGTTACAAGTTCCTATTTGGAAGGATGCAACTTCTTAACCGCCGCAGTTTCGACTCCTG
CTAATAGTTTAGCCCACTCTTTGTTGTTACTATGGGGCCCTGAAGCACAAGGAGATTTTACTCGTTGGTGTAC
GGCTTGTTGAGTGTTTCAGGGGTGGTAGAGAACATTGTAGGGATTTCAGCCGGGGGCATTTCGTATTTCATAGTC
AGAGGTGAAATTCTTGGATTTATGAAAGACGAACAACCTGCGAAAGCATTTGCCAAGGATGTTTTCAATATCA
AGAACGAAAGTTGGGGGCTCGAGTACATGCGCCAACCTTTCTGGATTGGAGAGACATGAACTATAATGCCTC
TATTGCATGCATCAAATGAAAAGAAGATAAATGGGGAACTGATTTCTTAATGGCAGAATTTCGAGAGGTCTC
CCAACGCGGAAAAGACAATGAAACCTTGACCCCGCTTCTAAGGTTTCTCTTAAAACGGCAGCAAAGAAGGT
AGGGCCCCTGATTTCCAATGAAGGAGCTGCATCCACGTCTGGAATTGCTTCACAGACAGCTTCTGGGGTACTT
TCAGGTTCTGGGTGTATTAAATGCTAGACCAGGGAGTGCAACATCCTCTGGACTTCTTTCACACATGGTGTCAA
CTCTGAATGCTGATGTTGCGAGGGAATACCTGGCGAAGGTGGCTGATCTATTGCTTGAGTTTGCTCAGGCAGA
TACAACTGTGAAGTCATATATGTGCAGCCAAAGCTTACTTAATCGGCTTTTTCAAATGTTCAATAGGGTAGAGC
CTTCAATTCTCTGAAGATATTGAAGTGATAAATCATCTATCAACAGATCCAAATTGCTTAGAAAATCTTCAGC
GAGCAGATGCA

>trans_s_2565 BT011863|Arabidopsis thaliana At1g13360 mRNA sequence

ACCACACTTCACATTTTTCTCTCTTTTTCTTCTCTCTAATGGCGGCTTCAACTTAGAACCTAATTCTTCTTCT
TCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT
GGATAGAAAGCGAGTTCGCGACGAGTTCGACGATGACTCGTTGGCTGATTTCAGCCGAGTCCAAGCTAAGACG
ACTCAACTCGTCGGATTTGAGATTTGTGAAGCCATGACTAAGGAGAATTTCAATGTTGTCCAAGATACATCTG
CTGTTGCTGGTGATTTGAGTATTGATGATTTGGTGGAACTCTGAGGAGATTTCAGGATGAGTTGTTACTCAATAT
TCTTGAAGATTTCAGACGTTGTACCGGAGCGGGATGAGAGTATTGAAGTCTTGAACCTTGATTTCGTTTATTA
AGCTTTGAGGAAGAGATTCAAGCCGTGCCCTCGTCGGTGGATCAAAATAATAATGAAACCCCTCAAGCGGAA
CTCGGATATTTATTTGGGGCGTCGGATGATGAGTTAGGGTTACCGCCGAGTGGAGGTTTCAGTAGTACGGAA
GGGAATAAGATGGAGGCAATTGATTCATGCCTCTGCTTCTTCTCGTTCTCTGATGTATTTCGAGTTGGAAGG
GAATTTGGGGTTTGGTGATGAGATTCCGTGTTACGACTCGTTTCGAGTTGGGAATGGGGATTGGTTCCGGTG
GGCGGTGGCGGAAGAGAATGGGTGGGCAGTGGAGAGTTTGTTCATTGGGTGGTTTGTGTTGATTATCCGA
CGTGCCGTTTCGGCCGAGTCGTTATCGGCTTTGTAAAAACGGTTTCGAACGGAGGGGGAAGGTGGTTTTT
GGTTTT

>trans_s_2566 AJ538968|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT31-M2-002

CCCCTGAATATATGCAAAGTGGTAGGGTAACGGAAAAGACTGATGTATATAGTTTGGAGTTCTGGTACTTGAA
GTTCTGAGTGGAACGACCTACGGATGCATCATTTATTGAGAAAGGCCTGAACATTGTTGGCTGGCTAACT
TTCTTGTCACGGAGAATAGGCAACGAGAAATAGTTGATCCACAATGTGAAGGAGTACAATCGGAAACACTTG
ACTCATTGCTAAGGCTTGCTATTCAGTGTGTTTCTTCAAGTCCAGATGATCGACCAACCATGCACCGAGTAGTC
CAGTTCTTTGAATCCGAGGTTATGACGCCATGCCAAGTGACTTCGATGATTCCATTTCCGATTAACAGTATAG
GAAGAAGCATAAAGCATGATGGAGTCTGATGTCAGGCGTGGAGAATCGTCTCTTAATTTTACCCATTTTCTGC
CTGCAATTCATTAATAAATTTGGAAGCTGCCGTCTATCATTGCGATCCATTTGTTCTTCTTATGAGTAGTTATC
TCCAAGGTTCTTTTACTATTTAATGATATGCTTTTATTGTGCATGATTCTTACTTAAGAGAAAGTTCCAATTGTA
ATTTCCACTTTTGCCTCAATTGTAATTTCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
ACATGAGCAACTGTACAAATCAAATTGCTCCTTAAGTTATTGGTTACTTTCCTTTTATTTTATTGTTATTGTTT
CTTTTTGTAAAGTGTGATTTTTGTTAATGATTGAGCATTGAATATATTTCTTTTGATCCTTTATTTATTTATT
TTTAGGATAACTATGTAATCATCTTTCATTTTTTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2567 NM_105787|Arabidopsis thaliana 6-phosphogluconate dehydrogenase NAD-binding domain-containing protein (AT1G71180) mRNA, complete cds

ATTTTATAAGAGTCAGATTTTCAAAGTACTCTCCTTTGTTAGAAAAGGGCTAAAGTGGCCAATGAAGGAGA
AAAAACAAACCAACAACCTTTGAGATCCTTTGCTATTTCTACTGCTAACTTGCTTGACCTTGATTATTCCTTAATC
CACCATGGAAACTCCTTATCCAAACCCCATTTCTCCACCAAACTCGAATTGGATGGATTGGCATCGGAGTTA
TGGGCGCCGCCATGGCCACTCGTCTCCTCTCCGCAGGTTACTCTGTCACTATCTACGCTCGTTCTCCTTCTAAAG
CTCTTGATTTACAATCCAAAGGGGCTCTTCTTGTTAACTCTGTTTTAGAATTAGCTCAGACCAGCGATATTGTTT
TCACAATGGTGGGTACCCATCAGACGTTGACAAAATGTCTTAGACGACAATGGGATCCTACAAGGCTTGAA
TCCTGGTGGGGTCATCGTTGACACCACTAGTAGCCACCCGCTCTTGCCCGCAACATATTTACCGCTGCTCGTG
CAAAAGGCTGTTGGGCTGTGGACGCACCGGTATCGGGGGGTGACATTGGGGCTAGAGATGGAAAGTTAGCC
ATTTTGGTGGTGGAGATGAAGGGGTAGTGAATTGGTTATTACCTTTGTTGAAGTGTTGGGGAAAAGTAACAT
ATGTAGGTGAAGCTGGGTGTGGGCAGAGTTGCAAGATAGCAAACAGATACCGATTTGCGCAAATTTGATGG
GGCTGAGTGAAGGGTTGATGTTTGCGGAGCGAGCGGGTTTGACACAAAGAAGTTTTTGAAGCTGTGAGG
GGAGGGGCAGCAGGGTCAATGGCAATGGAGCTGTTTGGTGAGAGGATGATAGGAAGGGACTTTAGGCCTG
GTGGGTATGCTG

>trans_s_2568 FJ514800|Lycium barbarum choline monooxygenase mRNA, complete cds

AGGACTGTTGCTGTTGCAATGGCGACTTTGACGAAGCATATCCAAATTCACCTTCTTCCAACCTCCTTCCATTTCT
TTCAATTTCCATTTCTGTAATCATCGTTCTCCCTCACGAATCTCCGCGTCTTTATCCTTTGAAGCCCTGATTCTC
GATTCATTGAAGCTCGGAACTCGTTGATGATTTGACCCCTGAAATTCATTGGAGAAGGCCCTCACTCCACCC
TCCTCCTGGTATATAGACCTTCATTTTTCGCTCTCGAGCTCGATCGTGTCTTCTACAGAGGATGGCAGGCTGT
AGGATATGTTGAACAGTTAAAAGATGCCCATGACTTTTTACAGGCAGGTTGGGAAATGTAGAGTATGTGGT
ATGCAAAGATAATAACAGGAAGGTTTCGTGCATTTACAATGTTTGTGCGCCATCATGCCTCACTTCTTGCGACTG
GATGTGGGAAGAAGTCGTGCTTTGTATGCCCTATCATGGATGGACATACGGGTTGGATGGAATACTGCTTAA
GGCGACTAGAATAAATGGGATACAGAACTTCAATGAAAATGATTTTGGGCTTGTAACATTACCAGTAGCTATG
TGGGGGCCTTTCGTTCTTCTCAATTTGGATGGAATATCATCTAAGCCGGATGTTGATGAAGATAAAGTGG
CACGTGAATGGCTTGGAACATGTGCAGATGTGCTGAGATTAACGGAGTTGATGCTTCCCTAAGTTATGTCTG
TCGACGTGAATACACTATTGATTGTAACCTGGAAGGTTTTTGTGACAACTATTTAGATGGAGGATATCACGTTT
CCTATGCACATAAAGGGCTTGCATCTAATCTCAACCTTGAGTCTTATTCTACAGAATTATTTGAACTGTTAGCA
TTC

>trans_s_2569 BT003054|Arabidopsis thaliana At1g05210 gene, complete cds

AATCAATTAATCACTCTTCTCGCAGATATTGTGAGAAGAAAAATGGGTGCTTTTCTCAAGCTCATCGACGCCCT
ACTGTTCTCATCTTCCTCATACTCGCAATCATTTCTCTCCAATCGATTTCCAGCTTATTTTCCCTCAAACCTTT
TCCCTGATTTCTCATCGATCTTAAAGCCTCTACGTCCGCCAATATGGGGACTATATAATGGCCGAATCCCCTC
CCTTCCTTGTTGGCCTTGTTTGGCTCGAGCTTTTCTTCAATGGCCGCTTATGCTTCTCAATCTCTACGCCCTTCTT
GGCTTCAAACCATGGTACAAAACCACTTGCTTGATCTATGGCGTTTCTGTTGTGACGTCTATGTCTGCTGTATT
GGGTGAAATGGTTGGGTCGAACCGAGCATCTACTCTCTTGGAATGTACTATCCCTTCATGGGTTTGGGA
GTTTTGGCCATGCTACGTGGGCTCGTGCCGTGCTCGAGCAAGGCTGCAATCACTGGCACGACCCGACCATCAA
ATGGCAGGAAAAAGAGGGGCTTGAACAGCCATTTGAAATCGCCAAAGGAGTGCCTGTATTACCTTTCCGCAG
CTGATTCAGGTTAGTATTAACCTGAGGATGTTGGTTTCTTAGGCACGGGTGCAACTCTGGCTATGGAATATGG
ATCATTAGCATTTGCCTCGTTAGCATTTCACTAGTCTTTCATTGTATGAGTAGTAATGGTTCAAAGGAACCTT
TGGAGTTTTGATTGAGAATAAGGCCAATGAGCTTAAGATTTGATTTTCTAATGTTGAGGATTTCTTTTCTCAAT
GTAAACTCTACTGTCCAAAAATGGTATCTCGTGTTACAAAAA

>trans_s_2570 AL161571|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 67

[illegible]

>trans_s_2571 XM_002866082|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

ACCATTACTTCACTCAAAAATCCATTTTGGTGTTTCGCATGGAAAATCCCTCTAATCACAGGATTTGAAATCGTTC
CATTGCAGCAGGACATGGAGGAATCAGCCCAAGCTTTCAAGAATCTTCACAGCAGAGAGTATCAAGGTCACA
AGAAGAAGGTACATTCCGTGGCATGGAATTGCACGGGCATGAAGCTTGCTTCCGGTTCTGTTGATCAAAGTGC
TCGAGTTTGGCATATTGAGCCTCACGGACATATGATGTTTGCTTCAGGGTAAGGTTAAGGATGTTGAGTTGAA
AGGGCACACTGATAGTGTAGATCAGCTATGCTGGGACCCTAAACATTCTGATCTTATAGCGACTGCATCTGGG
GACAAGACCGTTTCGACTATGGGATGCTCGCAATGGGAAATGCTCACAGCAAGCTGAGCTCAGTGGGGAAAAT
ATCAACATCACCTACAAACCTGATGGGACACACATCGCTGTTGGAAATAGGGATGATGAACCTACAATTCTGG
ATGTTAGGAAGTTTAAACAGTTCACAAGCGCAAGTTCAACTATGAGGTGAATGAAATAGCTTGGAACATGAC
TGGGGAGATGTTTTCTGACAACCTGGAAATGGTACTGTTGAAGTACTAGCATACCCATCTCTTCGACCAATTG
AAACTCTTATGGCTCATACAGCGGGTTGTTACTGCATTGCAATTGACCCTGTTGGAGGGTATTTTGCAGTTGGA
AGTGCTGATTCATTAGTTAGCTTATGGGATATATCGCAGATGCTTTGTGTGCGAACATTTACAAAACCTGAATG
GGCTGTTAGAACAATAAGTTTCAACCACACAGGAGAATACATTGCTTCTGCCAGTGAGGACTTGTTCAATTGAT
ATATCAAAT

>trans_s_2572 CP001576|Micromonas sp. RCC299 chromosome 10, complete sequence

AATTGAATCCATAAATATCGTACAAACAGCATCCCCACAGACTGAAGAACCGAAGGCAGCAGCCTCCTACTCC
TCCTTCGAAGTGGTCACCCCAAACATCGAGGAAGAGTCACTCAGCAGGAAAGAAGACCAAAACAGAGCAGTT
CAAGCAATAGCAAACGGGACCCAGTTGTTTCCAGCAAACATAGATGAGGATTTTGATTGTAGTAAGTTCAGTC
TGCAGGATCTACTTGGTCGAGAGAAGGAAGTTTCAGCAAGCAACAATGGATATGGCTTATCTCATTCAAGTTT
TTCAAGTCTCGCAAACCAGCCTAATGGGAATAAGCCATCTGACCTTAAACCTTCCTTGAACGGGACCAAACCTTC
ATCACTTGGAAGAGAAAGCGGATTCCCAAGTGATTACTGTCACAAAGAAATGGGTTTCGCGGGAGGCTTGTTA
AAGTAGCCGAAGAACGTTAAGCCTCGATGTTCAATGAAGCAACACCCAGCGATTAGCATTTGATTGCCACATC
TGTGTAATACAACTAGGTGATTCATCATAGTCATGATAGTAGTATTGACATTAGAGCAGCATCCTCTGGTTTCG
ATTTCTTTATGTAAACAATCTCAACAGTGTTGGCTATGATAATTCATTTGCTCCCCTTCACATCTCAACCTCTATT
GCCCCATCTACAGAAGTGCAAATGGTGCAATTGAGGGGAGTCAGTTTTGTGGATAAGGTTTATATTATTATG
ATAATTAATTTAAACCTTATTTGATTTAGCTTTGAAAGGAGGGTATTAGGATTTCAATTGCGATAATTAGTTTC
ATACTTTTTATTAAATATTTTAAAAATAAAGTGTTGCTAATGAATGTTTAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_2573 EU144224|Cucumis sativus calcium-dependent nuclease mRNA, complete cds

AGTCCAAATTAATGAAACCTTAAGATTCCCATTATTGCCTAAGGCCGCAAAAAATGGGGAACGCACTCAGGT
TCCTCTGTGGCCACTTCTGCCATCCCACCTCCGATTCTTGCCTCCTCACGCCGCTCTATCTTCTCCACTGCCGG
CGTCTCCGCTCTTGCTCACGATCTCTTTGAATTGAGATCACATCACAGGTTCTCCAGGACTTGGTAAGCATG
TGGTTTCATCGAAGAAGGCACAGGCGAATTGGTATGGAAAATTGGCTGAGGCTTGAAGTCGGAGAAACCA
ACTCCACGAACTCCTGAAGAAGCTTCTAGGCTTGTGATTGAGACCCTCAAAAGACACCAAAAGAAAGATGTGC
AGGGACTATTGACATTCTATGGTCTTCTCTCATACTCTCGTCAAACCTTCTGCTCCAGCCCCAACTGCCG
CCTCCATACCCGAGGGAGTCAAGTTTGAGCTGCAGACACTGCCAGTTGATGCCAAAGCTGTAGCAGATGGTG
ATACAGTGACTGTGCATGTGAGTACATCACACCCAGAGAGTCTTGTGTTCCAAAAGAGGTTAGAAATGC
AGCCCTTCAAAGATCACGAGCTAGAAACGCAAAGAAGTATGCAAAGGCTGATGCTCTTCACAAGACAATAAC
GGATGCTGGTTACAGGGTAATTACTTTTCAGAATGAGGAGGTTCTTGCAAAAAGTACAGAATTCGCTCTCAGA
GGAATAGACGCACCAGAAAGTGAATGCCTTATGGGAAAGAAGCAAAGAAGAACTGAAAAGGCTTGTAGA
AGGCAAGTGTGAGAGTACTTGTGTTATGGTGAAGATCGGTACAATCGATGTGTTGGTGACTTGTATTGTAAT
GGAAAAGTTTAT

>trans_s_2574 NM_114392|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein
(AT3G45230) mRNA, complete cds

TTGGATCTAACTCCAATATTCAAATTTTCCCTCACCGACTTAACAAAAATTCCTTTTCAGATTCTCAAATCTTC
GCAAATTTCTCTCTACTACGAAAATGGCGAAAACCATTCTCTCTTGTCTTCTTTTCATCTTCTTTCCCTG
TTCATCAATGTCTCTTTCTCTTTGGAAGTATCACACCAACTTCCTCCATCTACGTCTCTGTAAATCTCTCCACT
ACCATCTCCTACTCCATTCCCTAATGCTCCAGCCAGTTCTCCGGCCGAATCTCTCTCCATTCTCTCTGCGCCT
CCTCCTCAGATCTCCCTCCCACTCCATCTCCAGCGCTGTTCTTTCTCCCGCACCCACTCCTTCTATTCTCTAGC
GGCCGATAGTGATTCCGGTAATATTACTTCCGGTGCGGTGGAGAAGACTCCGAAGTCTTAAAGGCGGGAT
GAATGGAGGAAAGAAGGCTGGAATTGCAGTTGGAGTGATTGCGGCACTGTGTTTTGTTGGAATTGGAGGATT
TGTGTACAAGAAGCGTCAGGATAACATTTCGTCGATCTCAGTACGGGAGTGCTGCTAGGTCTTCGTTTTGTGA
GTTATTTGGAATTGAATGGCCATGGTACGGAAATCTCTGCTTAATTAGAAACGGATAGCAGTTCTATTGATTAA
ACAGCATTATCATTTTATTTGACTGCGTAGTTTCGTAAACTCGTTTTATTAGAAACGGATAGCAGTCTATTGT
TTAGGAGGAGGTTGTTAGTAGATTTTCGATTTATTAGATGATTTTGAGTAGTAGTGATTACTTTCCATACG
ATGGTTCTTAGCTTCTTGCTCAATCAGTTCGGCATTGCCGATTTCTTGTCTATTCTGCTTTGGTTC

>trans_s_2575 AY142035|Arabidopsis thaliana At1g23840/F5O8_37 mRNA, complete cds

ACAGTAAGAAGAATTCAAGATTCAAGAGAAATGGAAAGCCATCAGATTCTGTCAAAACCCAACTGGGTTTCT
CTGCTTCATTCAAAGAAGCCTTGAAAATTTCTTTAATCATCAAAAATTTATCTCTTATAATCTTCTCTTTT
CCCCTATTGGCTCCCTCTTAGCCACCAAATTCCTTCACCCAACCTTCATTATCTCTCAAGCTTCTCTTCCA
TCATGATCCTTTCCAGCCAATCTCCATCGTCAGAATCATTGACTGTAGAACTCTACCCTATGCGTCTTAGAGCC
ATTGGACGACAATCCCTCCCCCAATCAAAACCTTCAAAGAAATTCTCTCTCAAAGTTCTGATCTCAACTCT
TCTATTAACATCAATCATCTTCTTCTTACCTTGACCTTCTCAACACAATTGCAACAGTTTCCATATCAGCAGCAATAT
GGAGGAAATTCCCAAATGGGTTTCAAAGAGATGCTGGTTCAAGTCATAAAGATGGTGGCTTTGAACTCAAA
GGTGCAATTGAAACATCTTTATGTTTTATTTTGTGGCTTCAGTCACTCTGTTGGGTTTGGTTGCTTTGTCAACA
GACTTCTTTTTTATCACTAAAGACCACCATTTTATGATGTTAGACATCATCTTGTCTCAAAATTTACCATTGTCA
CATTGTTCTTTGGGTCACTCTTTGTGGTTTTGTGGGTAAGTATATAGAGTGGAGTGCTGTTTGAACATGGG
GATTGTTATCTCAATCTTGGATAAGAACAAGGGTTATATAGCTATAGGGTGGCATCATATCTAAGTAGAGGT
AGCAGAAGACTTGATCAGTCTGATGATGGTTTTCTTGTGTTGGAAAATGGCTTTTGGGCTTCCAT

>trans_s_2576 NM_115042|Arabidopsis thaliana ATG5; phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 5-phosphatase (SAC8) mRNA, complete cds

```
AGTCGACCTTTCTAAAATGGTTAATCCGTTTTCAATTCACCAGATGGACCAAATTCGATCTCCTGATGTTTCCTT
CGTAGCTCTTAATTTCTAGATTTGTTTTCTGCTTCTTTTGATCCCGAACATGGAAGGCGAATCCTCTTCTTGCGA
GAGATTCAAGCTCTACGATCAGCTGGAATTGCACGAATTCAGGATAGGTTGTTGTAAAGTCTGTGGAATTT
CCCAACCGAGGCTTCTCAATCAACCGGGGCGATGGAAATATCGAGCCGCTTGATTGTGATACTGGTTTTGGTG
ATGCAACAAAAGTCTCCACAATCTATGGAGTGGTTGGGACAATAAGATTAGTCGCTGGAGTATACATGCTTGT
GATAACTTCACGAAAAGAAGTAGGAAACTTCCTTGGTTTCCCTGTTTTCCAAGTAACATCTATGAAATTCCTCC
CTTGTGATGAGGCTTTGAAGCTTTCAACTTCTCAAGAAAAAAGGATGAAGCTTACTTCCTGTCTTTGTTGAAA
ACAGTGGTAACAACCTCCCGGGTTGTATTATTCATACCAAACAGATATAACGTTGAACTTACAGAGAAGGTGTA
AGTTTGCTGAAGGATGGACCGCAAAACCGCTTTGGAAGCAGGCTGACCCTAGATTTCGTTTGGAACAAAACCC
TTCTAGTGGAAGCTTATTGAGTTCAAGCTTGATGAGTTTGTCATTCCACTACTGCAAGGAAATATCCTAACTTCC
AATTCATATATTAATATGGCGGACGTCATGAAGACTAGTTACAACGTTTCCCTTTTCTAATCAAACCTAAGAAA
CTTCTTTCTTTCTAGAAAACATTTCTAGAACTTTATCTAGAGTTTCTTGGTAGGTGTTTCTCTAATATTGTCTT
T
```

>trans_s_2577 AY105390|Zea mays PCO111935 mRNA sequence

```
GTTGTCAGAAGCAGAGCTCAGGCACCCAATTTCAAATACTCTACCTCACGCAATCTAATTCAAAGAAGCTTCGT
GGTAACGCCCTTCTGCATCTGCTCCCTGCAGAAGCGCTTTTGTTTGTTTTCTTTTCTTCTTCTAACAACCCATC
TTTTGAATCCCCTTAATTTGTCTCTATCTTGATGGGAATTGATATGGATTTTGGGTTTATCCCTCCTTGTTTA
GTCCGATTCTGATTGTATTCTAATTTGGGGGCTTTCTGTTTCACCGTCCGTAGTGTTTCTTGTTTTGGTGATTTA
GAAGGTTTTTCTCATCTGGGTCAGAGCTAATTCGTGGTTTTAGGCTATGAGGAAGAGGGAAAGAGAGAACCC
TTGTGGGGTTTGTGGCCATTATCACAATATGAAGAAGGGGAAGTTTGTGGGATTTGTGGTCATCGTGTTCCCT
GCTACATCGGAGAAAACCTTCTTGCAAGTTAGTGCTTTTCCCTCCGAGATCTTGCCGGAGTTTCTTTATTGGG
AAGCTATGATAACGCTTCACGCTCAGAACTTTGAAGACTCAAGGAATCTCCCGCGTTCTTAACACTGTGCCTG
CTTGCCAAAATCTCTACAAGAACTCCTTCACATATCACTGTCTCCAATATGATAAGACTTTACCTTTTGATGACG
CGGTTGAATTTCTAGAGCAATGTGAAAGAGACAAGGCTCGGGTCTGGTGCACTGCATGTCAGGAAAAAATA
GGTCTCCAGCTATTGTTATAGCATTCTTGATGAAATGTAAAGGGTGGAGACTTGCTCAGGGTTATCAATGGGT
GAAAGAACGGAAGCCGTCTGTTGAGTTAACTGAATCTATTTATCAGCAGCTGCAAGCGTATGAACAGAAGGG
TT
```

>trans_s_2578 EU185334|Fragaria x ananassa chloroplast fructose-1,6-bisphosphatase II mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

```
ATTCCCATGAATTTCCAACCCATCACCCATTATGATCCCATCGGCATCAACTTCGCGCAAATCCCAAAACCCAA
AACAATCCACACAATAATACTATGCAATCCACTACCATTCCTCTCTTCAATCCCCCGTTTCCTCTCCCTCAAATC
TCCCTCGTTTTGCACCAACAATCCGCCATTTCCCCCTCCATCCAAGCTTCGTCTTCCACAGCTATGGCTTCTAC
ACCTTCTGGCCTCGCCGTCGGGTCGCGAACAGGGACCGCTCCTAGAGGGTCGACAGGCACTGATGGACTCTG
TACTTTGACTGATTTTGTGGGTAAGGGAGGGATTGGTTTGGGAGATGATTTAGTGCTGCTGTTGACTCATATT
CAGTATGCTTGCAAGAGAATTGCCGCTCTCGTCGCTTCTCCCTTCAGTTCCGATCTTCAAAATCCGGCGGGTTT
GGCTGTTGGGTCTGAGAGGGATGCACCAAGCCGCTCGACATTGTGTCTAATGAAATCATCTTATCATCCCTTA
GAAATCTGGAAAAGTTGCTGTGATGGCTTCAGAAGAAGATGATGAACCAAGTTTGGATTAGAGATGATGGCC
CATTTGTGGTGGTAACTGATCCTCTTGATGGTTCTCGAAATATCGATGCATCAATACCTACTGGCACAATTTTT
GGGGTTTATAAACGTCTTGTTGAACTCGATAATTTACCGAGAGAAGAGAAGGCCGTGCTTAATTCTCTACAGA
```


GTGGGACTAAACTTTTGGCTGCTGGATATGTTCTCTACTCATCAGCTACAATACTTTGTGCCAGCTTTGGCTCT
GGGACACATGCATTTACACTGGACCATTCAACAGGAGACTTCATTCTTACTCATCCTCACATCAAAATCCCTCCT

>trans_s_2579 DQ386156|Coffea canephora fibrillin 8 (FIB8) mRNA, complete cds

ACACACTCCAAGTATGGATTGGGCTAATCCAACCCGTACCCCGCAGATTCACCGGAATAATGCGGTGATGGGA
TTGAGAATTAAGTCCAGATTATCATCGTGATCCAAACAAAGCCGACCTAGGAATCCCGTTAGGAAACAATCTCT
CTCGGTGACTGCGATTGCTTTCCTTTCTGGGTTTTCTGTCGTCATTTTTCTGCCTTCTCCGATCAGATTCTCGA
TTATAGGAGTCATTGGTCCACTTCTGTTTCTGAATTCTTATGATCATTGCCTTTGGAATTTTTGAAAAAAAAA
ATTGTTGTCCAATCGTCGGGGATGGACTTGCCGTTCTGTCCTCCCATTTGTATCTTTCTACTCAAAAGAAAGCCTTC
AATGGACATAACCCATTTTGCAGAGTCCTTAGAGAAGATTCTTGTAGAAAAATGTTTCAATGTTTAGCAACCGT
TGCCAGCCAAACAACTCAGACATATACCTATGGGTTGGAAACCAAGAAGAACGATCTTCTGGTTGCTGTTCAA
GAAACTCAAAGGGGGCTTGTAGCATCATCTGATCAACGTTGTGTCATAGAGGAGGCTCTGGTCAATGTAGAG
GCGTATAGCATGGGTCTCCCTATTGACCTGATGAAATTGGATGGCACATGGCGACTACAGTACACTTCGGCTC
CTGATGTTCTTATTCTTCTTGAAGCTGCAGCCAGACTTCCTTTCTTTCAGATTGGGCAAATCTTTCAGAAATTTG
AATGTCGGGACAGTTTGAATAAAGGAATTGTTGCAAATGTCGTTGCTGGAGTATCCCATCACTGTTAGAGGA
CCAGGAAGGAGCAACTCTGCTTGTATCTGCAAAATTTCTGTTGTTTCTTACGTAACATCTACCTCCAATTTGA

>trans_s_2580 AF243374|Glycine max glutathione S-transferase GST 19 mRNA, complete cds

ATATCAAATATCACAAACAATGGCAGAGGTAAAGATTATTGGATCAGCTGCAAGCCTATTCTCCGTAAGGGTC
GAATGGGCCTTGAAGCTCAAAGGAATTGAGTATGAGTACATAGTTGAAGACTTGAGAAACAAAAGTGAGCTA
CTTCTCAAGTCCAACCCTGTATACAAGAAAATACCTGTGCTTTTGACAATGACAAAGCCATCTCCGAGTCGCT
TCTCATTATTGAATACATCGACGAGACGTGGAAGGAGAACCCGATATTGCCTGAAGATCCATATGACAGAGCC
AATGCTCGCTTCTGGGCTAAGTTTTAGACGAGAAGGGTTTGCTCGGTGCCTGGGAAGCTTGCCAGGCTGAA
GGAGAAGAGAAAGAGAAGGCTGTAGAGGCTGCGGTACAACATTTGGCACTGCTTGACAAAGAAATACAAGG
AAAGAAATTCTTTGGTGGAGAGAAAATTGGTTACCTAGATTAGCTGCAGGTTGGATTTGCCACTGGCTCAGT
GTTCTGGATGAAGTGGGAGAAATGAATGTGTTTGACAGAGAAAGGTTCCCATCCCTTCATGAATGGGCTCAA
AACTTCATCCACGTTCCAGTTATCAAAGAATCGTTCCACCCAGAGAAATCTTGTCAACTACTTCAAGGGGAG
TCTGAGCTACGTCCGGTCCTTAGCTGCAAATAAGAAATAAGGTCTCGTCGAATGTTTATATTTGTTAAAAATA
AGTTTATTCTATCAAACAGTAAGAATACAGATGGCCAATGTGAAACAAATCCATAGGTTAAAAAATCATAGGT
GGTGTGTTGTTGAATACTCTTACTACCTTCGAGTAATATGCATCTATTTTATTGACTAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_2581 XM_002879798|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata yippee family protein, mRNA

TTTTCTTCATTTCCCTCTTTTTTCTTTTCATTTCTTCTGTTTCCCACTTGATTCTTCTCTTCTTCTATTCT
TCTTTCTAATTTCTTTAGCAACTCAATTTCTGGTTACCCATTTCCCTCTTTTCAATTTTTGACGAGATTTCAAAGTC
ATGGGGAGGTTGTTGTTGTGAACCTTGAAGGAAGGATCTATAGCTGCAAACTGCCGAACCCATCTTGCTC
TTTATGAGGACATAGTTTCCAAAACCTTCCAAAGCAGACATGGAAAAGCTTACCTCTTCAATAAAGAACTGAAT
GTTTCTGTTGGAGAGAAAAAACGAGAATGATGATGACGGGAATGCATACTGTTGCTGATATCTTTGTGTTG
GCTGTGGATCAATTGTGGGATGGACATATGAACTGCCTTTGAGAAAAATCAGAAATACAAAGAAGGAAAAAT
CGGTACTGGAGCGGTTCAAGGTTTCAGGGCCTGGTGGAACCAGTTATTGGGTTAGTCATACTCATAGCCATGA
AACAGGCCATGGTGGAGGAAGTGTGATGATGAGCTTGTGATGATGATGACGACAATGATGATGATGATTA
TTATTCCAACGTATATACTACACATCCATCCAATGTTTCATATTCTTCAGCTCATTGTTCTTCAACTGTCATTCTC
ATTTAGCAAGAAAACAATACTTGTAGCTGTTTTGTAACAACACTCAAAACATTTCACTGATAATTCTTCTT

TAACTTGATATTCAATATCACTTTGCAATACCATGATATGTTTCCTTTTTTTTTCTTTTTCTTTTTATCAAATTT
GTGTTCTTTTGATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2582 DQ122189|Gossypium hirsutum 3-ketoacyl-CoA synthase mRNA, complete cds

ACTTTCTAAAGATCTCATGGCTATAGCCGGAGAAGCTTTGAAATCCAACATTACAACCATCGGACCACTCGTTC
TTCCAGCGTCGGAGCAGCTGCTTTTCCTTTTAACTCTAATCGGCCGGAAAATCTTCAACCCCGGATGGAAGCCG
TACATCCCAGATTTCAAACAAGCGTTTGAGCATTCTGTATCCACGCCGGTGGACGGGCGGTGATCGATGAAC
TTCAGAAGAACCTACAGCTATCGACAGAGCACGTGGAAGCTTCTAGAATGACACTTCACCGGTGGGGAAATA
CGTCGTCGTCTTCACTTTGGTACGAATTAGCTTACATTGAAGCTAAAGGAAGAATGAGAAAAGGAGATCGGAT
TTGGCAAATTGCATTGCGGAGTGGGTTTAAATGCAACAGTGCTGTTTGGAAATGCAACAAAACAATCAAACT
CCGGTCGATGGGCCATGGGCTGATTGCATCGACAGGTATCCGGTTCACATTCCTGAAGTAGTCAAACCTCTAAG
AAAATTCACAAATTCAAAAACAAAATTTGAAATAACACCCAAAAAGAACAAAATATTTAATAAAAAACAAA
AGAAAAATATGGACTTTGGGGTTTTAGCATAATCATCTGCCAAATTTGCTTCCTTTGTGATGTATTTATCTATAT
GAAAACCTCTCATTTGTCTATGGGTTGTGACACCATATATTTCCACTTGTTCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTC
TTCTTCTTAATCCTAAATGGATTTGCATAGATGGAATTAATATTGTGTTTGTATTGAATTTAATGTATGATCCCA
TTTGTAGTTTGGTTGGGGTTTCACAAAACCAAAAATTCAGAAGTAGAAGGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_2583 BT010898|Arabidopsis thaliana At3g53490 mRNA, complete cds

AGACACAAAATTCCCCAGTTCTTCCACAACCCACAGGTCCATTGCGACGCAAAGGAGCCAAATCGCCATAAC
CTCGAAGCTTCTGTTTAATTGAATCGGAGTTTAAAACTCCGCCGTCGGCCACCGCCTTATCTACCGGCTCT
CTCATCGATCTCGTCGTTTCGAAAACCTACCGAGATTACAATTAGGGTTTTAGAAAATTTTGATTGCGGATAT
GCCGATTCGGTGTACTCTGAAATTCAGAGTGTTAGCTTTTTCTTCTTTTTGGACATTCTAAGCTGCCATTC
AGGGGGTGCTGAATCGGCTGTTGTTACGCTTGATTCCATTGTAATATACAAAACGCACGAGTGTTAGCAGCG
AAACCAACTGTTATTTTCACTGTCTAGGGGGAAATAAGACGACATTGCCTGATGTACAGAAAGAGCATGTTT
TATATAGCTTCAATGGTGAAGAATCATGGCAGCCATTGACTGAATTTAAAGCAAAAAGTGTAAGCGATGTG
GGTTCTATGAAGAGGACAGTATTAATCTGATGATGATTTGAAGAATGGGAGTTTTGTCCATCTGATTTTACA
TCTCTGCTGGAAAATATGTACGATTCAATCCAAAAGAGTTCAATGCCACTTTTTATGCTTGCAGTGCACAGC
ATATTCCAATGTTACAGTACAAGTTCCAGTACAAGTTCGTCTACGGATGGGGGAGAAAAGGGAATGCATGCT
GCTGTAATCATAGTTATCAGTATAGTAGCTTCCATTGTGTTGATTCTTGGGATGGGTGGGTGGTTACAAATATT
GGCAAAAAAAGAGAAGAAAACAAGATCAAGCCAGGTTTCTAAAGCTGTTTGAAGATGGGGATGACATTGAA
GATGAATT

>trans_s_2584 NM_001057675|Oryza sativa Japonica Group Os03g0727100 (Os03g0727100)
mRNA, complete cds

AGCCGAAACCCATTTTCGGACTTAGTCGGGGGGCCTTCGATCCGCTGGGTTTCTCCATCCCCTTGATTACATCG
GAGGTTTCACTGATCGGAACTTGAGAATTTACAAACATGGGGGCTTCAGAATCCGCACTCTCACGCTCTCTCT
CAACGAGGTCAGCTGATGTAATCTCCACCGAGTCGGAGCGATCAGAAGCTGTTGATCCCATCTTAGAGAGGCT
CAAATCCCTTCAAATCACAACACCGATATTGCAGTCACCCCTACGGAAGGTAGCCTGACAGATATCTTAGTTA
GAAAACCGCCCTCTTCTTCAAATGCTGTTACTGTGAATCCCCAAGTGCTTTTGGAGCTCTTCTCGATATACCGTA
AGTGGCAGGACGAAAAGGTCCAAGAGATCAACAAAATCACGAAGATATTGAGAACAAGATCGAAGTCACA
GATGCTTTGGCTGTTAAACTTCTTCAACGCTTAAATTTTTCTGTTTCTGCAGTTAAATCAGCTTCCCAACATCTAT
CAGAAGAAGAATTGCCTCAGAGGGTCCGGAGTCTCTCGGTCATCTATCAAGCCATTTGTTCTCGCAACGGCC
GACACAGGGTCTGCTTGCAACTCATCTTCTAAACAAGTAGCTTTGGATACAGATCCACATCCCCAAGAACCCAA

ATTAAATTGATTCATTATTGGAAATCGTTTTGTAATTTAGAAACAAAAGCACTCACGTTGCACAAAATGGTATA
TATAAAAATGCCAATTCTTGATAAATTGGTTTCTTTTCCAGCATTATCCATTGTCAAATTTGCTGTTTACAGCA
ACGTTAAGCTGTCGAGAAAATGTCCTAAAGCAGTGTCCCAAAATCAAATCTGGACCGCTGACCGTTAGTACC
T

>trans_s_2585 XM_002893405|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transferase family protein, mRNA

AACTCAATTTAGTTCGTCGATTTAGTTTTCAATTCAAAGACAGAGCTTCAAAAATCCCAACAATGGAAGTTCA
AATTCTCACCAAAGAAATCATTAAACCTTCCTCTCCAACCCCTTCTCATCTTCACCGTTTCAACATCTCTGCTC
GACCAGCTCTCCACCGCCGTTACGTCCCTGTATTCTTTTTCCCAATTCCAATGGAGCAACGCCTTTCAAC
GAAAGATCCGACCGTCTGAAGAAGTCACTGGCGGAGATTCTGACTCGATTTTACCCACTCGCCGGCCGTCCCA
GAGAGAATAGCTACATCGATTGTAACGACGACGGCGCTGAGTATGTTGAAGCTCGAACCAATTGTGTTCTCTC
CGATTTTCTTAAGGAACCCACGCCGGAACCTCTCGCTCAGTTTCTTCCAATTAAACCGAAGCCCCCGAGGCCG
CCGACGGCGGACGCATGCTCTTAGTTTCAGGTGACATTATTGCAATGCGGAGGAATGGCAATGGGCATAAGCT
TCTCTCACAACACTAGTCGACGCATCCTCCATAAGCGTAATCTTAAAAAGCTGGTCAGCGGCGGCGCTAGGCTC
CGACATGGTGGAGCCAGAGTTTCTTCAAACATCTTTGGTACCATCGCCGGAGGGAATCCCAATCGCCGCCCCA
CCAACAGACTTAGGCGGCAAAGTCAAATGCAGTAGCCGAAGGTTAGTTTTCAACGCCCAAAGTATCGCCGATC
TAAAATCCAAAGCCGCAAGTGACATCACACCGAACCCAACCCGTGTGGAGGTCGTAACGGCTCTCATTGGAA
ATGCGCAATGAAAGCACAAGCATCAACAACCTGAAAAACGACGTCGCCTTCCCAATCTCTTCGTCATGTCCCA
AACCG

>trans_s_2586 AY258007|Nicotiana tabacum TGB12K interacting protein 2 (TIP2) mRNA, complete
cds

CTCTACTTTTCTTTGGATTGAGTTTCTTCTCCAGCCATCCGGCTTCTGCTTCTGCTTCTGCTTCAACTTCAATCTCC
GAATCTCCATCGCAGGCGTGTTGAAGTTTCTTCAAAGTTACTCCCATGGCTTCCACGACCAAGGATGTTG
CTGCCGATGGGAAAACAGCTTCGTCAGAGACCGAAAGCGCGAAAAGTGAAACATCCAAGAATGAAACATCTA
AAAGTGAAACATCCTCTGCAGAGCAGCAGCCAGATAAACCAAAACCTACCTCTGCTGCACCTCATGAGGGAG
AATTTCCCCCAAATCCTTTTGATTTCTCAGCAATGACCGGTTTGCTTAATGATCCCAGCATTCAAGAATTAGCTT
CTCAAATAGCAAAAAGATCCTGCATTTAATCAGATGGCATCGCAACTTCAGAAGACTTTTCAAGGTGCTTCTGCA
CAGCAGGGTATTCTCAGTTTGATACACAACAATATTACTCTACCATGCAGCAGGTCATGCAGAAATCCCAATT
CATGACAATGGCCGAGCGCCTTGGAATGCTTTAATGCAGGATCCATCCATGTCTAGCATGTTGGAAACTTTT
GCAAATCCATCAAATAAAGAGCAGCTTGAGGAACGTATGGCACAAATCAAGGAAGATCCTAGTTTGAAGCCA
ATTTTAGATGAAATAGAGACTGGTGGTCCAGCTGCCATGATGAGGTATTGGAATGACAGAGATGTCTTGAAA
AAATTAGGGGAAGCAATGGGTTTTGCAGTTTATGGAGACGCTGCCAATGCCGAAAGTTCTGCTGCAGATGAT
TCAGAAGAAGTGGGGAACGATGATGAATCTGTAGTTCATCAAACCTGCCAGTGTTGGTGATGCTGAGGGCTTA
AAAAATGCA

>trans_s_2587 XM_001697395|Chlamydomonas reinhardtii CCR4-associated factor (CAF1) mRNA,
complete cds

AGAGGGTGAGCATTAGGCAAACCTCTCTCTCTATCTCTATATCAAACCCTGCTTCTCTCTGCCGCTCCTCT
CCTCTTCTCCTCCTCCGACGTTGACCTCCTTCTCCTCCATTTCTACAACCCCTTCATCTAGATCTACCCTTCCCA
CCTTTCAATTTACATTTTCAAGGTCAGATCTACTTACCCACTTCCTATTTCTTTTACATCACTTCGTTTCTAGGG
TTCTACTTAACCCCCCTTCTCTTTCAGATCTTGAACCACTTCTTTACTTCCCTTACTCTGGCGTTGGTTTTCCCA
CGCCACGCTTGCTTCTTTGAGATCCCATCTCTGTTGCTATCTTTCTTTACGTCTTCTCGATTTCTCACTCT
TATCGAGTTGACCTTGGAGGAATGTCGATTTTACCCAAAGGTGATTGATTCAAATCCGGGAAGTCTGGAATG

CTAATTTGGAAGAGGAGTTTGC GTTAATCCGTGCGATTGTTGATAAAATTTAATTACATAGCTATGGATACCGA
GTTCCCTGGTGTGTACTTCGTCTTTGGGTACTTTCAAGAATATCAATGATTTCAACTACCGGACTCTTAAGGA
TAATGTTGAGATGTTGAAGTTGATTCAGTTGGGTCTTACTTTCTCTGATGAGGATGGGAATCTCCCAACTGTG
GAACTGATAAGTTTGCATTGGCAGTTCAATTTCCGTGAGTTCAATATTGGTAGTGATATTTTTGCTAGTGATT
CCATTGAGCTTCTTCGTCAGTGTGGTATTGATTTT CAGAAGAACAATGAAGAGGGTATCGATGTTAATCGTTTT
GGTGAGCTTCTTATGTCTTCTGGGGGTTGTGTAAACGATGATGTGAACTGGGTACGTTTT

>trans_s_2588 XM_002329837|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS63),
mRNA

CGCGGCTCAATCACCAGCTCTCACCTGTTGGAAAGCCCCCTTCAAAGGGCTGCTTTCTACTTCAAGGAGGCTCTT
CAATTGCTCCTCCTTATGAATAACCCAGTTAATCCTCCTCCACCTCGCTGCCCCGACACCGTTTGATGTGATCTTC
AAGATGGGTGCTTACAAAGTGTCTCGGAAATTTCCCCACTCATTGATTTGTGAATTTACCTGCAACCAGGC
ACTGCTTGAGGCGCTCGATGACGTTGATCGAATTCACATTCTAGATTTGATATTGGTTTTGGAGCTCAGTGG
GCTTCTTTTATGCAGGAACTGTCCTTGAGGAGCCGGGGTGCACCATCGCTCAAAATCACTGCTTTTGCCTCTCC
CTCAACTCACCATCCAATTGAACTTGGGCTTATGCACGAAAATCTCACTCAATTTGCTAATGACATTGGAATAA
GTTTTGAGTTTGAAGTAGTTAACTTTGATTCTTTGAACCAGAACTCCTTTCTTTGCCATTTACACGGACCAGCG
AAAACGAGGCCATTGCAGTAACTTCCCTCTATGGTGTTCAAAAACAACCAGATATGCATCCGTCTCTCCTC
CGCTTCATCAACCAACACTCACCAAAAAATGTGGTTTCACTGGACCGAGGTTGTGATCGAAGTGACCTCCCCCT
TCCTCAGCATATGCTTCAGGCACTTCAGTCTTACATTAACTTCTGGAGTCTCTGGATGCTATCAATATGAATTC
GGATGCTGTGAACAAGATCGAAAGGTTTCTTTTGCACCCAGAATTGAAAGTACGGTCTCTGGGACGACTTCGA
GCACCTGAAAGAATGCCCTTTTGGAAACACTCTTTCCTCAGCTGGGTTTACCCCTGTAACTTTAGCAACTT

>trans_s_2589 NM_001065049|Oryza sativa Japonica Group Os06g0705100 (Os06g0705100)
mRNA, complete cds

AAAAAGGGTTAAGAAAAAATAAAAAAGTACAGAGATGGCAACATCCTTCCTATCAACAGCAAACACAT
TCCATTCTTCACACCTTCATCTTCATCTTCATCTTCTCCTATTCTTCACCTCCATTGTTGAGATCAAGATTTGGT
TGCTTTATTGCCATAATAACACTAAACGACTGGTTATCTGCAAGAGTAGTAGTGACCCACCTTCCAAAATTCC
AGCTTTAACCAAGAGAACCCTCTCAATCTGCTTCATTTCCAGTTTCATTTTCCCTCTTGTGGGTCAGGGATTTTC
CGATGCAAATGCTGCGATTCTCGAAGCTGATGATGATGAGGAGCTGCTGGAGAAGGTGAAGAAGGATAGAA
AGAAAAGGCTCGAGAAGCAAGGGGTTATCAGTTCTGCCAATAAGAAAAAGGATACCTCCAGGAACTTGTGT
ACAAGCTGAGCAAAGTAGGCCAAGCCATTGATGATAATGACTTCACAACAGCAAGTTCAGTTCTTGGGGGTA
GTAGTGATGCAGATTGGGTCCAGAATGCCAATTTAGCCTTCAACAAGCTGAGTTCAAGTCCCAGAGAGAAATC
TGAGGTGGACGCATTCAACTCCTCTTAGCTTCATTAACCTCATCAGTTACTAAGAGTGATGTTGAATCCTCCA
AAACTGCCTTTGTAGCATCTGCTAGTGCAATTTGAGAAATGGACAGCCTTGGCAGGGCTTGTGGACGGCTGAA
GGGCCTTTGAGTTGAAAAACAACGATCTGCATCGATCTCATTTATTCTAAGAATGACCCACTGTATTTTTATA
GTCTCCACCTATTTTTTTTCCCTCCCAATCCTTGAATTAAGTCAAAGAAGCTGATTTTTCTTGTCATCTTCT
CACT

>trans_s_2590 EF614285|Malus x domestica cytochrome b5 (CYB5) mRNA, complete cds

AATAAAATAAGAAAAATCATTTCTTGCCATATCGATAACTAAGATCAAGAACCCATCTGCGTTCTGTAATCGCT
CGGGCTTTGCCGCAACAGGGATCCGAACAACACGTTCCCTCTCAGCCATTTTCTCTTGATAAATGGCTTCG
GATCCGAAGGTTTCGTCTATTCTGAAGAAGTGGCAAAGCACAACAAACCAAGATTGCTGGCTTGTTATCTCTG
GGAAGGTTTATGATGTAACCTTTTCATGGAGGATCACCCCGAGGTGATGAAGTATTATTGTCAGCAACTGG
AAAAGATGCCACAAACGATTTCTGAAGATGTTGGGCACAGTGATTCAGCAAGAGAAATGATGGACAAATATTA

CATCGGAGAAATTGATCCTTCAACGGTACCTTTGAAGAAGATTTACATTCCATCACAACAAACACAGCACAACC
CAGACAAGACACCTGAGTTTGTGATCAAGATCTTGCAGTTTTTGGTTCCCATGTTGATTTTGGGTTTGGCATT
GCTGTTGACACTACACCAAGAATGAATAAATATCGATTATGTTCCGGTAGAAAAACGTTCTCTTTAATTTTTCT
GTTTTAGCTTCTTGTCTTGTGATTCATGTGGGGGTTGGTCGTAGACTAGAGTTCTCTGGATTGGCTTTTGTATT
CTACTTTTAATAATAAGTAAAGCTAAGTGCTGTCCTTTTTCTTTTCCAACTTTTTCCCCTTCTTTATTACTCTG
CCCGTCTCTTTAGGTTAACTTTGATCCCATTTTATTCTTTAGAACTCAAGGACACAGATGTACAGCCTATAGAA
CATATTTTGTTTAAGTAAGGTTGTGATCCCGTTTCATTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2591 XM_002880148|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisomal biogenesis factor 11
family protein, mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTGTTAAATAATTATTTAAATGAGATTCATACAAAGAGTCTCTTTCT
TAAGGAGGCCTTGGACTTTGGTGCAGATGGAAGCAACTGATAACATGATATCAAAGAGGTGACAAATCCAAA
TGCTCCAGTAACGCGAGGAGTTACTTTCTAGGTGCCAACTGAAGCAGTCCAATTGCAACAACAACATCCATG
GCGGCTTTAATCAGTGCAAGGGACCGTTCATTTGATTGTTTGACCTTTGCGCAGTATTTCTCATCTTCATATTTA
TTCCTGTTCTTAAGATCCTTCTCCAGCTTTTTTCTTGCTGAGGAAAGCCTCCCAAGCTCTCCAAGCTCAACCAAT
GTGGAACAAATTGATGAACCCATCCAACAAAACAGTGATATCCTGCCAATCAGCTCTGCACGTTCTTTGTTCTT
ATAGATGCCCCGCTCTACTGAGCCAAACAATTTGATCGAGGAATAGAAAAGTTGATAACAAAGCATTCTTGGAC
TTCCCTAAAAGAACAAGGGGCAGAGGTGTTCTTGGGGAGTAGGGCTGATTAGTCCATGAAGATCATTGACA
AATTGAAAAGACGAAAGACTTTACGTGCTAAGGCAGTGGATCTATCAACATTCTGTGCTGTTCCAGGTTCTCC
ATTGCTCAAGAATTTTGAACCATACTGTATAGCTCTGCATATCTTGTCTCTGGCTTCAGCCTTATTCAGATACAA
AACAACGAGCGCAAGTTCTGAGAGTTGTACGTCCAATGTGCTCATCTCTAAACTTATGCACAATAACTGGGA
AGTCTGCTTCGTTTTTGTGTGCTCCGTAGTGCTAAAAGCTGGGATTTAAGGCTCTCAGCAACAGCAGCAGCTT

>trans_s_2592 XM_002302643|Populus trichocarpa dicer-like protein (DCL902), mRNA

CGTGGAATCTCAAAGAATCACGCTCAAAGTTTATGGGTTTTAGGGTTTCTCTACCCCTACTTCCAACCCCAAA
AATCCTTTCTTTTTCGCTGCTTCGTACGGTCTATCACTCTCTAAATTTCTGCAACTTATTCTCCTTCTCTCTCG
CTCTCTCTGCGTCTCTCTCTATCTCTCCGCTCCCCAGCTTCCGCTCTCTCTGCGTCAACCATTACCGCCGAGC
ATTTTCTATATTTATTTACTTTTCTATCTTTTTGTAGAGATTTTGTCTTCAATTCGATTTTCTTTATGCCTTTTAC
ATTTTTGATTAAATTTCCAGAACTGAAATTTCATAGTTCCTTTTCGTTTTTAATTTATCTGTTATACTAGTCTGC
TATGGAGGATGAGACTAGGGTTCCGGGAAGTTTTAGCAGCGAACCAACATGTTTCATTGGGGGTTTCTTCTTTC
TGGCTTGATGCCTGTGAGGACATCTCTGCGACATCATCAATGATTTTGTGGATTTCCAGGCGTCTATAACCCC
TGGATCCTCAGTTGATCACACTTCCGATCAACATAACCTGTCCAACGATTTTTTGGTGGAATTGATCACATTCT
TGACAGTATCAAGAACGGGGGAAGCCTCTCCCCAGTAACTGTAATGTTGATCGTGATTGCAACGTGAGGGA
AGGGTTGTTTATTGAGAATAATGCATCTGGNGTTCGTGATATGTCGGTCGATAGCTCAACTGTGCAATCCAAT
GGTGACAGATAGAAATTCTTCAATGCAGTGGACCGAGCAAGGATAATCTTGATAATGGTAGTCATATCTGCG
AGCGCTATGAATCTGTTAATGGGTCCCAGCCACCATATGAATGCGAAGGGCTCAAAGTTGTTGAA

>trans_s_2593 NM_001052134|Oryza sativa Japonica Group Os02g0102700 (Os02g0102700)
mRNA, complete cds

AAAGGTTAAAGAGAAGGTGAGAGGGCGTTAGGGTTTTAGAGGGAGATTTGAGATTTGAGGTTTCAGATTTGT
CAATTGCAGGGAGTAGCCATGAGTAGGAGCTTGGGAATTCCAGTGAAGCTACTCCATGAGGCCGCGGGCCAC
GTTGTATCGGTGGAGCTTAAAAGCGGTGAGCTTTACAGAGGAAGTATGATCGAGTGCGAGGATAACTGGAAC
TGCCAGCTCGAAAACATCACCTACACTGCTAAGGATGGTAAGGTTTCACTTGAAGCATGTTTTTATCCGAG
GCAGCAAAGTCAGGTTTATGGTCATACCAGACATGCTGAAGAATGCTCCAATGTTCAAGCGTCTTGATGCTAG

AATTAAGGTAAAGGCGCCTCACTTGGTGTGGCAGGGGCCGGGCTGTTGCTATGCGAGCTAAAGCTCAAGC
GGCTGGCCGTGGAAGTGCACCTGGTCGGGGTGCTCCACCATCTGGCAGAAGGTGATGAAAACCATGAATATA
GTTTGTTATATCCTTAGTTCAAACCCTAGAAAGTCATTGGAACATCGACCATCAAGTTTTTACTAGTTCCGGGTA
TTGACATCATCAACATTGAAGAGGGCTATATGCAATTGTTCATTTTGTTGAAAATGGGCGATTGACCATAATAT
CACCAACTTGATAATCAACTATTTACTTCAGCCCAATTTTTTTTTTTTTTTGTTGAGATCAAACCTTTCCTTACCCT
TCTTGTTTCATCTTTGCCATGTATGTATTGGACGTTCTTGCATCTTATCACCATAGGAGTAATGTCTTTGTGCCAT
TTATTCTACTTCTACCGTTGGCTGTATGTTATGGGTTGAGCTATGAATATGAGACTGCCTAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_2594 NM_001051991|Oryza sativa Japonica Group Os01g0958800 (Os01g0958800)
mRNA, partial cds

ACAATAGTCAACACACTTCTCCATTTTACCTTCAATTCATTGGAACATCCCACCCATTTTCATCCATTCCTTTGT
TCCCAATTTAATCTTTCAGGTTGAAGAATTTCTCTAGGTGTTGTTTTCTCCATATGGGTCATCAAGTTCTGCAAT
CTTTTAGTAAAGGGCGTGTGGAGTTTCGTTTATGCAATGTATCAGGTTTCACCAACGAATTACTGGAGATTCA
CTCGGATGATCCATCATTGCACGTATTGTTCACTTCTGGAAATCCAGGGATTATTTCATTTTATAAAGATTTTGT
CGAATCACTGTATCAGTTGCTTGGCGGTCATGTGTCTATAACAGCTATTGGGCATATATGTCAAACGAAGAAG
GACTGGGAAGGTGGAAGGCTGTTTTATTACAAGAACAATTGATCATAAGGTTGAATTTGTTAGACAGGAG
TTACAGAATAAAGACATCCCCTTGATACTGGTTGGACATTCTGTAGGATCGTATATCTCCATTGAATTGTTCCG
CAGGTTCCAGGATCGAGCGGTGTATTGCATTGGATTGCATCCATTTATGATGGTGAACAAAGAATCACGTCAG
CAATTTTTTATCGAGAACTTGCAAGGTCTCCACTGCTATCAACTTTTTTTTCTTCTTTTGTTCCTTGTGGGTA
TATTACCAATTCAAGCTTCAAGTTTTGTTGTGAGAAAACTATTGGGAAGTCATGGTCCAGAACTGCTTGTGAG
GCTGCTTGCTCTCATTTGCTAAAGTACCATAGCATGCGAAATGTGCTATATATGGGCATGACAGAGTTTGAGA
AGTTTTTCAGAAACACCAGATTGGGCTTTTATGAAGAAAGTGAGTCAGAAATTATCATTTTTTGTCTGTATGG

>trans_s_2595 NM_001160784|Arabidopsis thaliana metalloendopeptidase (AT4G20310) mRNA,
complete cds

ACTGACGGAAGGGGACGTGGCGGCCCAATGCCAGGAAGATGGAGGCGAAGTAAGAGATCCATGGCTCAGG
TCGACGTTACGCTCATATTCCTTCCCTACTTCGCTTACCACATCTCGCAAAGGTATTTCAAATGCCATTTCTG
CTGGTACTGCGATTACAAGATCACCTCGTTCAACGAACCTATTTTCCAATTTGGACGAAGGCATGCCAGGGCTC
TGAGAACATGGTTCTCGATTGGGATTGGTTTCTCTCTTGGCGCTCTTGCTGTTGTTGCCACGGTTTATGCCGAC
GCTTTCTTTTTGTTGTTTATTCTATATATAGTTTTAAAACTATCTTGTTATCCTATGCTTTCTTTTCCATTTTTCAA
ACAACAATCTAACTCGACATGTCCAAAAAAAAAATGGAGATAGCTGGGTCATAATAGGAGAAATAAACGAG
GCAGTCACACGGAAATGATCACAAGAAGCAACACTTTTCTTATTGAAAAAATGTTCAAGAATCAGCCTACATA
TATAGGTGGCAATGGCTACAGCTGAAGCGGGACAATTTACTCCAATTAGTTATATTACAACAAAATGGAAGC
CCATCAGCTGGATGCCTTAATATCCCCTGAAAGCCAATGTCTGAATCTTCTCAAACACGAAGTTTCTCAAGGAG
AGTTAGAAAAGGTGATCTGACAGTGGCTTGGTAAATATATCAGCTACTTGTGGCTTGATCTGTTGCTGGGAG
ATGATGAACAATGAGTTTATGAAATTAATGACCAATCCTATATGTTAAGTCTGAGAAGACAATATAGGATTGA
CACTAAGATGAACCACTATCAAGTTATCATACCATACTATGGGCGACTTGGAATGAGAAATATGTTCTTTAAGC
AAA

>trans_s_2596 AY054140|Arabidopsis thaliana At1g65720/F1E22_13 mRNA, complete cds

AATCGACACACAAACAATCAAAACACTCGACAAAGTCTTCTTTCTTCCATTCTTCTCTCAAACCCAAGAAAAA
AAGTTCTCCTTTTTTCAAACCTTCATCCATGGCGTCGCCTCTTTCTCCTTTTCTTTCACCATTTCTTCTCA
ATTCCCTCTCAAGCTCGTCCTTGCAAATCCCTTTTCTTTCTTTTCCCTTCACCGTCACCGAACCTCGATTCCCC

CCATCCCTTTTCCCAGATGGCCATTATCGTCGATATCACCGAGTTCAAATCTTCCTCCTTTTCTCTTCTTCCGAT
CCCCTTTTCCCCTCCGTCGCCGACCCACCGACATCCTCCGCTTCGATCTCCCTCGTCCTACCCCTGTTTCAGCAA
CAACCAACACTTCCCTTACGATTTACCTCTCTCCGCGATCGCACCAAGGATATTCTCAGCGTTGTTGTCGCTT
TGCTCTTTGGCGTTGGCTGTGGCGCTCTCACTGCTGCCACTATGTATTTGGCTTACTCTTTGTTTACTGGTCAAT
TCGGGCATCGCTCCTCTGTGTATGATGACTTTGGGGAGGATGATGATGATCTCAGTGATGATAACAAGGAGA
ATATTAAGAAGATGGGTTATATCAACATCCCTGACGACGTTGCCCCGTTAAATCAGTGGGTTAGACAACGTG
CACGATGTGCGCTGCGGATATTCTAACTGGCGGATCTCTACTTAACTGTTGACTTGTGTTGGACTTCATCAGCC
CTTCCCTTATATATGTTCTCTTTTCAGTTCAACCTCTTTAATTAATTTTTAAAGCTATTTACAGGGACCTGTATTT
TTAGACCTCTCTAATGGGTACTTCTTCACAACATTGGTAATTTAAGGTTAAGTATTCCT

>trans_s_2597 NM_115262|Arabidopsis thaliana phosphatidic acid phosphatase-related / PAP2-
related (AT3G54020) mRNA, complete cds

CTCAACTGTCTTTCTCCATTTCTTCGATCAATTTCTTTCCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCATCTACTATC
TTCCATTATTCTACAAACCCTCTTTCTTTCTTTTTTTCTAGTAATGCCTTTTTTTGTTTCTCATCCATCGCTTCCCC
TTTTGATTTTCCATTCCAATCGCTGACTTCGGTCTTGATTTTCAACTGGATCTTGATTTTCTCGAACCGCCATTT
TCTTTCTTTTTGCTTCCTTTGACCCCAATTACGGAAGGGATTATTTGTTTTGGGTTTTGATTGATTCTACGGAT
TGTTAACGAGATATCCAAGTTTGCATGTTGACCTTCAGATTTTGGCTTTGAAGTAATATGGAAGTGGTGGTTA
CGCGCATTCAAAATGAATCTTTACATTGGTCGCGAAGCGTCAAAGCTATGGAAAAGATTCTGCGCAGAGATTA
GTACGGAGATCAGCCTTCTCATCGAGAATTGGAAATACCTTCTTGGTGGACTTGTTTTTCAGTACATACATGGA
GTTGCTGCTCATGGAGTTCACTACATACATCGGCCAGGTCCAATTCTTCAGGACGTTGGTTTCTTCTTCTACCT
GAGTTAGGTCCGGACAAAGCTTACCTAAGTGAGACACTTTTCACATTCATATTTCTATCCTTTGTTGCGTGGTCT
TTCCACCCATTTATTCTCAAGAGCAAAAGGATCTATACAGTTCTCTTATGGTGCAGGGTTCTAGCATTTTTAGTT
GGTTGTCAAATTCTTCGTATCCTAACATTCTATTCTACACAACCTGCCTGGTCCAAACTATCACTGTCGTGAGGG
GTCAAAACTTGCCACATTGCCTCCTCCAGATATGCATATGAAGTACTATTGATGATT

>trans_s_2598 AY109825|Zea mays CL4356_1 mRNA sequence

ATTCCCATAGTTCCTCGGTCTGGGCGAGACTTCGGACTTTCAATTCCTTGTGTCGATAGAACTAGAGAGATCT
CTTTGGAATCAATTTTTCTTCCCCTCAACCGGATTTTCATGGCTCCGAAACCTGTTACCAGTCCCCTTCCGAAGC
TTGGTACCCAACCTTGCCGTCTTGATGATCTCTGTTGGCCTCATCGTTACCGCTTCCTTTTTCATCTATGAAGCT
ACATCTTCAGGAAAAACCGTAGTCTGGCCAAGGAACCTCACTCGAGGAACAATTGCCTCCATTTTCTTGGGTTT
TGGATCCTTGTTCTTGTTGCTTGCTTCTGGTGTTTATGTCTAACCTATTGAAAGCACATCTTGAGAATCTGTTCTT
ATTTAGCAGGGTCAGTTCTACATGTAAGGTGCTGGTAATAGAACTACTTCCTAGAGACGGTGCTTTTTTTAAC
AATGAGGAATGAACATTTTTGAATTTTTATTGAGCATTATACTCATAAAATGCAATATGTTTGAAGGAATTTTG
TAGGGTTGAGAAATGTGTAGTGCTGAAGAAATCAGCTTTTTGCTAAAAATCTACAATTATGTAGAAATCAGCT
TATTATCATTTTACTTCTGGGGAGGGCTTTGGTATTTCATAAATCCTTCCCAAAGACCTAAGATCTCTGTTAAT
CAGAATGGGAAGCTTGATTTGACCAAGCCCTTTGTAGCCATTGAGTTAGTTACTATAGTTAGGGTTTTAGTCT
AAGTTATAATAGTTTGGGTTTAAGGTGTAACTATTATTTTAGTCTAAGTAATAATACTTTGAATTTAGGATGA
AAGTTATTTATGTTTGGTTAGTAAATAGTAAATATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2599 AY039865|Arabidopsis thaliana AT5g58570/mzn1_20 mRNA, complete cds

AATCATTATTTTAAACATATTTCCGATGCCCTCTTCTTCTTCGATGAAACTTCCCTCTTCTTCAATCTTCTCCT
ATCCTACTGTCTTTGGATTTCTACACTCTTTCATTTTTGCTTCGAATTCAACTTCATACAAGCCTATATTGAAAC
TTCTTCTGCTTCTAGATCCATGTCAATGCCTAATGAGGACAATGCATCTTCACAAACTCAGCTTTCATCTAATTT
GTTTGGGGATCTCCTGGATTCCGTGATTGTTGATGTTGCATCGGAATGCCATCGAATAGCAAGGTTAGGTCTT

GATCGTAACTTAGAAGAGGAAGAAGAAGAAATTAAGACTTTTCAGCACAAAGCACGAGTAAGAGTAGCAGATTCT
AGCAATAGTAGTGAGGCAAACGGCAAATATGTAGTTGATATTTTTGGACAAACTCATCCATCTGTTGCCAACG
AGATATTTGATTGCATGAATTGTGGTCGATCAATTATGGCTGGGAGATTTGCCCTCATTTAGAGAAATGCAT
GGGAAGGGGTAGAAAGGCTCGTCCCAAAGTAACGAGAAGTAGTACAGCTGCTCAGAGCCGATATTCACGAG
GCAATCCTGTTTCTGCATATTCCCCTACCCCAATTCACCAGCACGAATCGCTTACCTAATGGAACATCTAGTC
TTGCAGGGGAGGAGTACTCAAATGGTACATCTGAAGACCCATGAACAGTAGAGCAATGGTGAATGATTCCA
ATTTGAGAAAACATACTGTAATCTTAACATGCGCACAGGAATATAATGATATCTCCTGTCATGTTTCAGTTTTAC
ATTACATGACTTCCTTGTATGAGTTATCATTACGTGGGAAAAAATATATCATGTCTGGGATCTATACTATGAA
TT

>trans_s_2600 NM_001072003 | *Oryza sativa* Japonica Group Os10g0573700 (Os10g0573700)
mRNA, complete cds

CTCCAAGGCGAATGCAGTTTCACGCCTCCTCCTCCCTCATCTAGCTGCTCCGATTGTTAAAGAACTTAAAAGCG
TGCAGCGTTTATCAATCATATGGGAGACGTGGCGAAAGATCTTCTTGCTGGGACTCTTGGGGGAGCAGCTCA
ATTGATATGTGGGCACCCATTTGATACAATTAAGGTCAAGCTCCAAAGCCAACCTGTTCCGCTTCCTGGCCAAC
GTCCAAGTATTCTGGAGCGATGGATGCTCTCAGACAAACCTTAGCTTCAGAAGGCCCAAGAGGTTTGTA
AGGTATGGGAGCTCCATTGGCTACAGTTGCTGCACAAAATGCTGTTCTTCTACTGTCAGGGGACAACCTAGAG
TCCTTCTTTAGGCCTTATCCTGGTGCCTCCCTGAAGTTAAGCACCAAGTAGTTTGTGGGGCTGGGGCTGGCGT
TGCTGTGTCTCTTGTAGCTTGTCCAACCTGAGTTGATCAAAATGCAGACTGCAAGCTCAAAGTGCCTAGCAACAT
CCAGTTCAGTTGGTGTGGCAGTGAAGTATGGTGGTCCGATGGATGTAGCCAAGCATGTTCTCCAATCGCATG
GAGTGAAGGGTCTTTTCAAGGGTTTGGTTCCAACCTTGGCCAGAGAGGTGCCTGGGAATGCAGTGGTTTTTG
GTGTATATGAAATGCTAAAACAACACTTTGCAGGAGGTCGAGACACTTCTAATCTAGGAAGAGGGTCTCTGAT
GGTGGCTGGTGGTATATCTGGAGCTGCCTTCTGGCTAGCTGTGTATCCAACCTGATGTGGTGAAGAGTGTGATT
CAAGTGGATGATCTCAAGAACCCAAAGTTCTCCAGTTCTATCGATGCTTTTAAAAAATCATGGCTTTAGAAAGA
GTTAAAGGC

>trans_s_2601 X79332 | *S.tuberosum* (Desiree) FeS1 mRNA for Rieske iron-sulfur protein

GGGGAGTTCTCGTTATCCCTCCCAAGTCGAAACCTGAAGCTTTACGAAGATGTTGAGGATTGCAGCTCGAAGG
CTCTCGTCACTCTCTTCTTCGCATTTTCAGGCCTACGATTGCTTCTTCTTTGCCCGTTCTCACAAACATCATTGATT
CCACTGATTCTAATGATTTTCAGATCCGGTGGATTCTTCAATACTTTTCCATCGGACCTCACTTTGATCGCAACT
CTAGAGGTTTCGCTTCTGATGCATTAAGTTCAATGAAGGAAACCAACTTAGTTCCAGATGTTCTGCTACTGTA
GCAGCCGTTAAAAACCCTACTTCAAAGATAGTCTATGACGAATACAATCATGAACGATTTCCCTCCGGGTGACC
CCAGCAAGCGTGCATTTGCTTATTTCTGCTTGTGAGGTGGTCCGTTTGTCTATGCTTCTTTGATCCGTCTCCTTG
TTCTCAAGTTTGTCTTAGCATGTCTGCCAGTAAGGACGTTCTTGCCCTTGCCCTCGCTTGAGGTGACCTCTCAA
GCATTGAGCCTGGTTCTACTGTGACGGTTAAGTGGCGTGGAACCAAGTATTCATCAGAAGACGAACGGAGG
AGGATATTAAGTTAGCTAATAGCGTCGACATTGGAACCTTCTCGTGACCCTCAACAGGATGGGGAGAGAGTTA
AAGATCCAGAATGGCTTATTGTGGTTGGCGTGTGCACGCATCTTGGTTGCATTCCGTTGCCCAATGCTGGTGA
TTTTGGTGGGTGGTTCTGTCCGTGCCATGGTTCCCATACGATGTCTCCGGTAGGATCCGTAAAGGACCAGCA
CCCTACAATTTGGAGGTACCTACTTACACCTTTTTGGAAGATAACAAGCTTTTGATTGTTAAGAATAGAAGAAG
AA

>trans_s_2602 XM_002879089 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* nucleic acid binding protein, mRNA

ATTCCACCTCTGGTATTTCTCCTCCGCATGATCGAAGGAAGATCTATTTAGCTTCTTCATTTTGAAATTCAACAG
GTATTTGATTGTGAGGAACGTCCAGCCTTGGGTTGTGGAGATGGCTTGCACAAACTGTTCTCCTCCTACGGG

AACCTTGAAGAGTGTAACCCATGGATGCAAATTTGATGAATTCACAGACGTTTATTTTGTCAAATTTCAATCG
GTCACCAATGCCAGGTTTGCAAAAAGAAAATTGGATGAGTTTGTTCCTTGGTGATCGGCTCCAAGTCTCTTA
TGCGCCTGAGTTTGAAAGCTTGGTTGATACAAAGGAAAAGCTAGAAGTTAGGAGACGAGAAGTTTTAGCACG
ATTGGATTCTGGCAGACCAAGAGGATCTGCAGTTAGTTCAACAACCGCAAAGCTTACAAATCCTTCTCGCTCTA
ATTATACTCTTGAACAGAAGAACTCTCTTGAAAATAGGAATTATGGAGATGCAGCACTCATTTCCAGTCCCCAT
GTTTCTCAAATGACAAGAGTTTCCTCTGACCAGGATTACTTCGCATCCGAATCTATGAATCAAAGTGTGCATCT
CGTCAGGGAAAAGCTTGATAAGATTCAATCAAGCAGCGAACATCTGCAAGCTGGACCAGCGAGCAAGAAATC
ACGTCTGGACAATAGGAGGAGAATCTAATGCTAGCTGGCCTCTTTATAGAGACAGTTAGTAGGTGTCTCAACG
TTGTATCAAAAGCTATTTTGACATATCGCATACGCCGATTTGCGGTGTACAAATTGAACTGTTTGGCCTTTTATT
TCAAAGGTGAAAAGGAATAGTGCATGCAACAAAGTTCTGTAGAGGAGTGTTTTATTGCCAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_2603 NM_111955|Arabidopsis thaliana AL2 (ALFIN-LIKE 2); DNA binding / methylated
histone residue binding (AL2) mRNA, complete cds

ATAAATAGCGTGGATAAAGCCAAAACCAAAAAACCGAAAGCCAACTCAACGATCCGTACAAGAGGTTCCAA
GTTTATCGATGCTGCTCACTGGGCAGTGATCACTCCGATCTCTTCGACTTCTGCAAATCCCATACCAATTTACT
CTGTATATCAAATGGCGTCAATATCTTCAAGCCCTCGTTCCGTTGAAGACATCTTCAAGGATTACAACGCTCGT
CGCACGGGCCTTGTCGAGCCCTCACTTATGATGTCGATGAGTTCTACTCGCTTTGCGATCCTGAGAAGGAGA
ATTTGTGTTTGTATGGACATCCGAATGAGTCTTGGGAGGTGACTCTGCCGCTGAGGAAGTTCCATCCGAGCT
CCCTGAACCTGCGTTGGGGATCAATTTTGCTAGAGATGGGATGAAGCGTAGAGACTGGCTTTCGTTGGTGGC
TGCGCACAGCGATTGTTGGTTACTTTCAGTGCGGTTCTATTTTGGTGCTCAACTCAACCGCAATGAGCGGAAC
GACTATTTAGTATGATCAATGATCTACCCACTCCATTTGAAGCTGCATCCGGAACGAAAGCTGTTAAAGACAA
ACCCAGTATGGATAGCGGAAGTAAATCTAGAAACAGCACAAAGAGCTCACTAGATGGGTCGACTAGAAACAG
CAATCCAAACTACTTGAAGAGAGTTATGGAGAGGACGAAGATGAGCATGGTGACACACTCTGTGGAAGCTG
TGGTGGGAACATAACGCGGACGAGTTTTGGATTGGATGTGACATCTGTGAGAGGTGGTACCACGGAAAATG
TGTGAGGATAACACCTGCCAAGGCTGAGAATATCAAGCAGTACAAATGCCCTCTTGACAGCACAAAGAGAGG
AAGACTGTAGTGC

>trans_s_2604 XM_002870397|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata auxin-responsive family protein,
mRNA

ACATCTTCTCTTCTCAGTTCCCATTTCCAAAACCCCCAATCCGCCATGGCAACAAAACCTCAATCCTTTTTCATC
GCTGCTCTGTTTCTTATCTTTTTCCCTTCCGCTTCAGCGCAAACCTTGAGAACCTACAATGGTTTCGCCAACA
ATGAAGTCTTTCGAGCTTGTGTAGATCATCCAGTTCTCAACTCTTTCCTTCATTGGACTTACCATCCTTCAAAC
CACTCTCAAATCGCCTTCAGACGCCCTTCTACCACTTCCAATCAATGGATTGCTTGGGCCATTAACCAGCAAA
GCCTCGCCATGTTTCGGTCTCAAGCTCTCATCGCTTACAGAAATTCCTCTGGTCTTCCCCATGTTTACACTTCAA
GTATTGATCTACTTTTCCAACATGCAACAGAGCAGCTTGAGCTTTGAAGTTCCTCAACTTTCGCCCACTTATA
CCAACAGTGAAATGACTATTTTGAACATTAATCTTCCCCCTGGTTTAACCACTATCAATCAGGTCTGGCAAG
AGGGTCCCATGAATCAAGGATCTCCAGCTTCCATAACCCTGTCGGTGACAATCGACAGTCACTTGGTACTCTG
GATTTGCTTACTGGGTCTAGCACCGTGGCAGTGGATTCTGTTCTCAAGAGAAGAAACATTCATGGAGTTTTGA
ATGCTGTGAGTTGGGGGACCTTAATGCCCATGGGAGCCATTTTCGCTAGATATTTGAAGGTCTTTAAGGCTGC
AGATCCTGCTTGGTTTTACCTTCATGTTGCCTGCCAGACCTCCGCTACGCTGTCGGTGTTGCCGGTGGGCTA
CCGGTATCAAATCGGCGGCGAGTCGGCTGCAGTTCAATACACTACTCATCGCAACATTGGGATTGC

>trans_s_2605 AM503586|Lotus japonicus mRNA for parvulin-type peptidyl-prolyl cis/trans
isomerase (pin1 gene)

CACACCATTGTTGAGAGCTCGCGACTATCTGCTCCACCAATCCAAGTGAAAGAAAAAGCGAGGGCGGCGCCA
CCGATCCTCTTCTCCGGCTGACAAAATAGATTCCGATCGCAAGCGGAAGAAATCGGCTCATTGATCTCCTCTA
CGGATCGAACTGCGAAGGAAAAGCGTAGCAGCAGCAAGAAAAACAAGATGTCCTCTTCGGCGCCCACTGGTC
AGGTTAGGGCATCGCATATACTCATAAAGCACCAAGGTTGCGGACGTCCTGCTTCGTGGAAAGATCCGGAAG
GCAGAATTATCAAGAATACCACTCGTGAGAGTGCCGTCCTCAGCTTACTGTCATTGAGACGACATCATTTCC
GGCAAGGCTAAGTTTGAGGATATTGCTACTCGCATCTCTGACTGCAGCTCTGCCAAGCGTGGCGGCGATCTAG
GTCCTTTTGGGCGTGCCAGATGCAGAAGCCATTTGAAGAAGCAACATTTGCCCTCAAGGTTGGAGAGATAA
GCGACATTGTTGATACCGACAGTGGAGTTCACATCATCAAGCGCACTGCTTAACTTCTCTCATGAATCTCATG
GCTTCACCTATGAAGCATTTAACCATTGCGCCGTTAGCCAAATCAAAGTTGTTCAAGTAAGATTTGTTTCTTCT
GCTTCAGGCCACACGAATTTCTTACTATAATACTCTTGTAAATCCATGTGATTTGGTTATAGCTACTCTGTTT
CGGTGACACTGAAGTTCGATGCTTTTTTATGCCATTGAATTTTTGCCTTTGTAAACGCGACAACATAAACATTA
AAACTGGTTGTGGTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_2606 NM_001064494|Oryza sativa Japonica Group Os06g0588900 (Os06g0588900)
mRNA, complete cds

ATGTTTACTTGTTTCGGTTTTATTTCATAAGAATCTCTATTTATCAAGGTTAGAGTAAGAAATGGAGTTGGATAG
CATTAAAGATGCATTTGATCGTGTGACAAAGAAGCAGAAATTATCTTCTTCCAAAAGTCAAGAAGTAGTTGAC
CGGATCCATCTGGAAGTGGACAGGTGCTACAAAAGATACAGCTAGCTGATAATCCGGAATGTCCTATTGATT
TGAATTCAGTTTTTCTGTAAGTCAAACTAAATTTGAAGGATATTGCCCCACTCACTCAGCTCGATAGCACACAA
AAGGAGTTGAATGCTGCTCTGACCAAGTATCCAAAGCTTGTGAAAAATCTTTCAATCCAGATATATCAAAAG
CTTATAGAAACGTTGATTTTGATAGGCATACTGTTAACCAGATTATTGCTAGTCATTTCTATCGCCAGGGTATG
TTTGAACCTGGTGACTGCTTTATTAGTGAGGCTGGCGAGTCAGAGTCTGCTGCTTCATTGAGGTCTCCATTTC
GGAAATGTATCAGATCCTTGAATCCATGAAGTCCCGGAATCTAGAGCCAGCTCTGAACTGGGCTCTGAATAAC
TCGAATAAACTTAAGGAATGTGGGTCGGATCTTTTGTAAAACTTCATAGCATGCAGTTCATGGAGATTCTACA
GAAGGGAGATAGACATGATGCTTTGAAGTACGCTAGGACCTACCTTGACCTCTTGATCTAACCACATGGCT
GAACTTCAGAAGCTTATGGCTTGCCTGTTGTGGACTGGAAGGCTTATTGCTCCCATACTCTCATTCTCAATT
ATTATCAGTAGCGAATTGGGATAAAGTTGCTGAAGAGCTTATACGACAGTTCTGCAATTTCTTGGTCAGTCCT
ATG

>trans_s_2607 NM_121539|Arabidopsis thaliana plastocyanin-like domain-containing protein
(AT5G15350) mRNA, complete cds

AACATTGGAAATACAGAGCAAATGGAAGTCCTAAGAACAAGGGTCGGTGGCAGTGGGCTTCTGGTGGCGGT
TGCGGCGGCAGTGGTGGTACTGCTGGCGTGGTGCCGGAAGTTTCGGCGACACGGTGGACTGTCGGTGGCA
ACATGGGTTGGACTACTAATGTGAACTATAGTACCTGGGCTCAGGGAAAGCACTTCTACTATGATGATTGGCT
CTTTTTGTGTATGACAGGAACCAAATGAATGTGTTGGAGGTGAACAAGACAGATTATGAGAATTGCATTTCT
GATCATCCACTCCACAATTTACCACAGGAGCTGGAAGAGATGTGGTTCATTTGAATGTCACCCGGCCTTATTA
CTTCATAAGTGGCAAAGGCTTTTGTATGGAGGCATGAAGCTCGCTATCCATGTCGAACACCTACCTCCCCGC
CCTCGGCCTTGCCCATGAACGAAAAGAGCAGTGCTCTTAGATCTACCTACACTGGCCACACCCCATTCGTTTTA
ACCGCTGTTTTTGCCATTGCTGCTGTATTTGAAGCTTTCTCCCGGTTTGGTAGAGATCAGTTCCTATTGATTC
ATATTCAATAGAGTACATTTTCTTACCAAATTGTGGAAGGAAAGGAAGATCAAGTTGTTAATTCTTCTTTT
ATATTTTTTTTTGAAGGGTGTAGTGTCTTTTTGTGTTATCTTTGCTTCACTTTGATTTAGACTTCAATATTCAA
AATAGTTTTTTTTCTTTTTTTCATTTTCAAATTTAAAAGTTTGTCAATTTTGTGTTTGGGTGGTGGATATAAA
AATCGTAAGGATTGAATTTTGATAAGACTCTAATTTATTGTCGTGTCGCTTAAATGGTTTTGCAAGCAA

>trans_s_2608 AY124815|Arabidopsis thaliana At1g70420/F17O7_4 mRNA, complete cds

ATGTTATCTTGTTATTAATCTCTTTAAAAATCCATTCCCAAATTCCTCCAATCTTCAAATCCCTAATTTAACAATCC
AATGCAACAACAACAACAACCACCACCCAACCAATTTAGCCCTAATGGGCAATCAGAAGATAATGAAGTTCTT
GATGATTTTTCTTTCTGTTTGTCTAAATCCCGATGGCTCCCCTATCCGTGCCGAAGACGCCTTCCTCAACGGCCAG
ATTGCCCCTGTATTTCCCCTCTTTGATCAACGGATTTTATCCGACGATGTCAACGGAACGACGTCTCAGCTGAA
GAACCTATTCGTGGAAGAATTCACTGAGAGTCCTCAGACTAGGGCGGCGGCGCCGGTGCTAGGGAAGAAGA
GCTATTCGACGGGGTTTTCGAAGCTGTGGCGGTTTCGGGGATAAGATTCCGGCGGAGCAGTAGTGAAGGGAAG
GAGGAGGCGTTTCTGTTTTTGAGAAGTGCTTCGTGCGGAAGCGGACAGAAGGCGGAGAAGGAGAAGGAGA
AGAAGAAGAAGAAGAAGAAGGGGGAAACGGCGTCGTATTATCACGAACGGCATTACGCGAGGAATAGAGC
GGAAAATGAAGTGAATAAACGGAAATCGTATCTGCCGTACAGAAGTAATTTAATGGGATTCTTCACTGCTCCT
AATGGATTGAACAGAAATTATTGATTAGATTAATAATTTTGATTGATTATTATTTATTCCTTCAATTCATTCC
TTTGTATATATCTGTAGGTTGGTTTTGGTGAGATTAGAGATTTTAAAAATCTCAAACCTGTATTAAGTTGA
ACTAATACGTAGATTCCACTTTTATGTTTCATGTAGAATTTCTGTACCTTTAGCAATAGAGGTTATATATGTTGC
TCCTCAT

>trans_s_2609 AJ492781|Cynanchum pachycladon 18S rRNA gene (partial), 5.8S rRNA gene, 26S
rRNA gene (partial), ITS1 and ITS2

AGCCCCTTTCTTCTCTCTCTCTCACTGCCAGGCCCATCTCTCCTCGACCTTCCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTC
TTCTTCTCTTCTTCTTCTCTCTCTCTCTGCAATTTCTTTTCTCCTATTCTCTATTTCTTCACTTTTGAGCTCCTTT
TTCCGGCAATGGAGTTGGACTGTGTAAGCTTCGTGGAGAGAACCATGTGGGAGCGCTCTGTTTTGGAAGCTA
TGCGGTTGGAGACTGTTTTCACTGCAAACTCCCTTGCTTGCCTTCTGGCGGTGGCAGGAGCTATGTTAAA
TATTGCTAATGGTACACCAGGATTGGCTGCAATTGAGGAGAGGTTTCTTCTCTGAACTTCACAAAAAGGAA
AGGCCTGATCAGGAAAACAAAGATGGTAGTGAAACAGAGGATGATGAAGATGATGACGATGACGATGACGC
AAATGATCAGGATGACGACGACGACGACGAAGATTTCTCTGGAGGTGAAGAAGGTGATGATGGTATCCAG
AGGACGATCCTGAAGCAAATGGTATGGAAGAGCTGGAGGTGATGAGGAAGATGACGATGACGATGACGA
CAATGGAGATGATGACGACGACGACGACGATGAGGACGAAGATGAGGACGAAGAAGACGAAGAGGAGGA
AACACCCAGCCACCAGCCAAGAAGAGGAAGTGAGAATATCGATTGGCCCTCCAAATTGTTGAGTTTCGAGT
AGCGAGGGAAGTTAGCTAGTGTTAGCCTTTGCTTTAGGGGGTAGGAACATTGCGGGCCTTGTGGTAATGA
ACTTCTCGTCTTATGTTTGTATGTTGTGGATCCATATTATATATAACAATTTCTTCTGGCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_2610 NM_101573|Arabidopsis thaliana cell cycle control protein-related (AT1G17130)
mRNA, complete cds

CTCTTTTCACTCAGCCGTTGAAGAACCAGAAGCCCTAATCCCATTGCAAGTCTGCAACTTTCGTCTTCTGGCCT
CCCTTCTCTCTCGGAGTGATACACCTTCTCCTTTCCCTTTGAAGTGAGATAAAATGGGTGAGAGGAAGGTGCT
TAACAAATACTACCCACCGGATTTTGATCCGTCAAAGCTACCAAGGGTTCGTAGACCCAAAAACCAGCAAATG
AAGGTTCTGATGATGCTTCTATGAGCATCCGGTGCAATACTTGTGGTAATTACATATACAAGGGCACAAAGT
TCAATTCTCGCAAGGAGGACGTCATTGGTGAGACATATTGGGAATTCAAATTTTATAGTTCTACTTCAAGTG
ACCAGATGTTCTGCTGAGCTTACCATTAAAACAGACCCCCAAAACCTCAGACTACGTTGTAGAATCAGGAGCCA
CACGTAATTTGAAACCATGGCGTGAGGAAGATGAAGCTTCTGAGAAGGAGAAACACAAAAGGAATGCGGAA
GAGATGGGGGACCAATGAAATCTTTGGAGAATAGAACCTTGGATTCCAAACGGGAGATGGACATTCTTGCT
GCTTTGGATGAGATGAAGTCTATGAAGTCGAGACACGCAACTGTGAGTATTGATTCAATGCTTGTGGCTTTGC
AACGAACTGCTGCTGAAAAGGAAAAGAAGTTAGAAGAAGAAGATGAAGCACTGATAAAATCAATAGTCTTCA
ATAACTCAAACAGTTATGTTAGAAGAATTTAGATGATGAATTTGATGATGGTAGTCATTCTGTTGACGATTTG

ACCAACAATGATATAGCATCGGACTTTAAAGCAAAGAAGCTAAGGGTTTCTGAAGGATCCCCTCATGATCCTA
CCACATGAA

>trans_s_2611 NM_128177|Arabidopsis thaliana calmodulin-binding family protein (AT2G26190)
mRNA, complete cds

AAGCCAGTGCTGAAGAGCCAATTTTTGAGCCTTTTCATCCTTACTCAAACCTTTCCCCACCTTGGCCGCTCTAGT
TCTGGCCCTGGCCACCGGGAGACGGCGGTTTCCGGCTTCTCGACGTTAAAAAAGGAAACAGAGCTCCGTTTC
AAATTGGCAGAATCGATAGCCTTCCACCACAATTCTTCAACAAGCACCGCACAATCTGCAAGATTTCTTCTCGT
TCTATAACTTTTATAAACCTTCTGCAGCTTCACCGCTGCCGCATCCAGTTCACCTCACCGGCCTAGGTGAGAACAT
AGCTGCCGGCTCCGGCAAAGAAACAACCGGAGTCGCGGTCTTTAAATTCTCCGACCCAGAAATAGAGAACT
AAAACCCGCATCTTCAACAAGTGATTTAAATGAGAGATTCGTTTCGAGAATCACTTTCTCCGGTTTATTCCCTTT
CAAATATTTGGTTTACTTCTAGTTGCTCTGTTGTTCCACCGCTTCTTCTCTGTAATTTGAAGCTATTTGATTTCT
AAAAACAGAGCTTTATCACTAGCGGAGAACTCGAATTTTTGAATATGATGAACAACCTTGATCTATAATTTCT
CTTCCAGGCAGAAATGAGAAGTGAAAGGGATAAACCCATGAATCAAAATCCGAAAACTAAATTAAGAAGGA
GAAAAAAATTTTAAAAAAAATGGGATTTGAAGTTTATGATGAGGGAGATTTGTTGTGAAAACTCTGTTTTT
TATATAGTGGAGGAAAGAAAAACAAAACAAAGAGATGAGAAAGAAAAATCAAAGGCAGGAGTTTGTGGGTT
TGTTTTGAACGTTTCAAAGAAGTTTGAATTGAAGAATGTGTACAAATGGATTGAGATTATTTGATTTTGGGA
TT

>trans_s_2612 XM_002881019|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

ACAGACGGTTGAGGAATCCGTTCAAATCCAGAACCAAAAGCCACAGAAATTCATTCTCTACAATCAAGACG
TTTTCAATGTGCGGGAAAACAAATTCATTGGCGGCGGTAATGGAGGCGGCGGCGGAAAGGTCAGGCCGAT
TGCCAGTGGAACAGACGGCGATGGATTGCATCGGTCAATTATCCACCGTCATGCCAGACGGGACTTCC
CAATTGTCATCGATTGGGGCTTCGGCTGAAGAAGAATCATCGATAACAGGGGGAATCATCAGAGAAGAAGA
GGTTTCTCTATGGAATTCGATTCTGAAAGAAGCTTCGGAATAAAATCTGCTTTGAGAAATGAAGCAATCGAT
GAAGAAACGGTGAGGAGATTGGTATCGCCGGTCATAGCAAACATTGAATCGGATAATTACGTGGAGTATTTCT
AGAACAGAGCTTTGTACCAAACGGGATTATCCCAAGATCCTAATAATCCACTCCTGCTTACTAATTATGCCCA
ATTTCTCTGCCTCGTTGCCATGATTACGACAGAGCGGAGGAATACTTCAAGAAGGCAGTGGCAGTGAAACC
GCCGGATGCAGATGCGTTCAACAAATACGCGACGTTCTTATGGAGAGTGAGAAAGGATTTGTGGGCAGCGG
AAGAGTCATTTCTGGAAGCCATTTAGCCGAGTCCGGTAACCCATTTTATGCTGCAAAATACGCCAATTTTCTC
TGGACCAATGGTGCTGAAGAAACGTGTTTAGAAAATTTTAAATTTCCCTAAACCTTCAATAAATAAAGGAAA
AGATCATAAAATCCCAAGTTTCGCAATTGGAAATGCATGGCGGTTTGATCAGTGACAGGATTTTGTGGGG
AAATATTCATCCTAAT

>trans_s_2613 AF082176|Arabidopsis thaliana auxin response factor 9 (ARF9) mRNA, complete cds

ATTCTCCAGAGAGAAGGTTTTAGGAACATAATTGGAGCTGCAGATATTTACCTCATTGGCCTAATTCAAGC
TGGAGATCACTAAGAGTACAATGGGATGAACAAACATCTATTCTAAGACCTGAAAGGGTATCACCTTGGGAT
ATAGAACCACTCACGTCTTCAACAGTCACAGGTCTATCTCAACCCATTTCAAAAAATAAAGGCCTCGACAACC
AACTCCAGCTCATGATTGTGCTGATTGACTAAGCCAACACATTGGGATTCTGGATTGGCACAGTCACATGAT
GGTAAACAATGCAGTAATGCAGCTGAAGGCAGAAAAGGTGAAAATAATGAATCGTGTCAACATAGAGAGAC
AGATGCTATCAGCAACAGCTCATGTGTATCAAGAACACAGACTGATACCTGGCTATCTCCTACTCAATCGAATA
GTTATAAACACCCAGTAAATGACATGGCGCAGGATTCAAAACCTGTCCCTAGCAGTGGTTGGTCTTTTCTATCA
GGAACCTCAACCTCTCACTTGGTTAAGTTAAGTGATGATCAATACTTGACCCATTGAAAATGGGAAGAAAG
GTGAAACGGTAGCTAGTTGTAGATTGTTTGGTATTGATCTCAATCATTTGGCTGCTGAGAAAGCATCTTCTCAA

CCAAGCAGTGGGTCTAGCGACACAGATGGGCGCATCAGTACCTTATCTGTGGCTCAGTCCGATCCAAAATCTG
ACAACCTAGAAAGTCTCTATAGAAAGAAAATCAGAACCATCACAAGCATCTCTGAAGGATATTCAATGCAATCA
AAGTAGCTCAGCTAACACTAGAAGCCGCACCAAGGTTCTCATGCATGGAATGGCCGTGCCATCGGCAGAAAG
TCCGGTTTA

>trans_s_2614 NM_001068407 | *Oryza sativa* Japonica Group Os08g0433200 (Os08g0433200)
mRNA, complete cds

ATGAAACCGTAATGAAATTTCTCCTATTTTCCAGCGATTTTGTGTTGAAGTTTTTGCCTGCGGGATACTTAGATT
CGGAAATACGAATATGCGCGCCGTCCATAGGGAAGATTCTTTTCAGTAATTCGCATCTCTTTTTCTTTATGCC
CTTCTCCTTAATTTTCCAGCATCCAAAACCTCCCTGAATCTTGACCTTAGCTTAATCCCGCCGCCGCGGCATCT
CAATACTTCAGTTCAACATAGGAGTTTGCAGTGGACAGAGTTATTTTGTTCGATGCCGGCAGATTCTTGCTGGC
ATTGAGAATGATTACAGCTAATTACTGAACTCTGATGGGTATCCAGAATAAATCAAACCTAGTAGAGCCCTT
GAAGGTCTCCATGGAGTTACCATCGTGGCTGAGTCACAAATTTGCGGTGGAAAAGACTACACAAGATGGGGAG
TTTTCTCAAAGTAGTTGTGGAAATTCAGCTATAAGTGTGAATCAGCCATTTCTAAAGCAATGGGTATGGGAGC
AAAGACCATCCTGTCTGAGACCTGTCGGGGGTTGTATACAAGGTGATCGAAATTTGGCAGAGAGGGTGGCTA
ATGTGCTTACCTCACTTCTTTTATTGCTCTTGAATCCAGGCACCTAGGAGGAATTTCTCAATGAAGCTATATG
CTAATTCATTGATTGGAGTCGGAGTTGCCTCGAGTTTATATCATTCTTCTAGAGGAAAAGTGAGACAATACCTA
AGATGGGCCGACTACACAATGATAGCTGCAGCCACAGTGTGTCTTACAGGAGCTCTGAAAAACGACAACCCA
AAGTTGGTGATGGCTGCATCTGCACTTCTATTGCCTTTGAGGCCCTTACGGTTTCTGCTCTTCACACTGGGAT
GAT

>trans_s_2615 U51192 | Glycine max peroxidase precursor (sEPa2) mRNA, partial cds

TCAAGCACAAAACCTTGTTTCCTCCAAACAGGTTGAAGACATAGATAACAGAAGTAAATTTACAGATGAGAATG
GAGAGGCTTACTTTTTTGGTGTAGCCACTATAGTTGGGCTTCTAAGTCTGATAGGCTCCACTCAAGCTCAGCT
AAAGCTTGGTTTCTATGCCAAAAGCTGCCAAAAGCTGAGAAGATTGTACTAGATTTCTGTTACACAGCATATCC
ACAATGCCCTTCATTGGCAGCAACTTTCATTAGAATGCACTTTCATGATTGCTTTGTCAGGGGTTGTGATGCA
TCTGTGCTCATAAACTCCACCTCAAATAACCAAGCTGAGAAGGATTCTCAACCAAATCAAACACTCAGAGGCTT
TGACTTCATTGATAGAGACAAAAGCTTACTTGAAGATGAATGCCCTGGAGTGGTCTCTTGCGCAGATGTTCTTT
CCTTGATTGCAACAGATACCATTGTAGCCACAGGAGGACCTTACTGGGAAGTTCCAAGTGGCCGAAGAGACG
GAGTGATCTCAAGATCAAGTGAAGCTTTGAATGACATTCCTCCTCATTGGAACCTTGCCACGCTCCAAAGA
CTTTTCCCAAACCAAGGGCTTGATCTAAAAGACTTGGTGTACTATCTGGCGCTCACACAATCGGCATAGCACA
CTGCCAATCATTAGCAATCAACTCTACAATTTACCGGGGTGCGAGACCAAGATCCCTCTCTAGACCCAAGAT
ACGCCGCTAATCTGAAGGCTAACAAATGCAGAACTCCACCGCCAACAACAAAGTGGAAAATGGACCCAGGAA
GTCGCAACACTTTTGACCTTAGCTACTATTCTTCTACTAAAAAGGAGGGGGCTCTTGAATCCGATGCTGCT
CTG

>trans_s_2616 XM_002890106 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* TMS membrane family protein,
mRNA

AATGAAAGTAGGAAAAGGAGACCAAACCAACAACGAATTACATAACCGAAGTCAGTCTCGAATCTTGATCTCT
CATACGATTGTTGGGTTGCTTGGCGATTGATCCTGGGAATTTTCTCCTCCAAATCTCTTCCAAGGCAAGCTTTT
AAACTGGTGGCTGTGTGAGGAAAAAAGATGTGGGCAGCTTCTTGCCTTGCCTCGTGTGCTGTGCAGCATGCGC
ATGTGATGCATGCCGTACGGTTGTTTCCAGTATTAGCCGAAGGTCTGCAAGGATTGCATACTGTGGCCTCTTC
GCTCTCTCCTTGATTGTTTCTTGATTCTCAGAGAGGTCGCTGCTCCCCTTCTGGAGAAAATCCCTTGGATTAAT
ACTTTCCATGAAACACCTAGCCGAGATTGGTTTCAAACCTGATGCAGTCTTGCGAGTTAGCTTGGGAAATTTTCT

CTTCTTCACCATCTATCTGTAATGATGGTTGGTGTAAAACTCAAAGGGATCCCCGGGATAATATTCACCATG
GTGGATGGATGGTGAAGGTTATTTGTTGGTTCCTTCTGGTGGTACTAATGTTTTTCATTCCCAATGAGATTATT
ACCTTTTATGAGTCTATATCAAAATTTGGCTCAGGATTGTTTCTTCTCGTTCAAGTTGTTCTTTTGCTGGATTTG
TTCATAGATGGAATGACACATGGGTTGGATATGACGAGCAGTTTTGGTACATTGCCTTATTTGTTGTTTCACTT
TTCTGTTATGTGACAACATTTGTCTCGTCTGGACTTCTCTCCATTGGTTCACACCGGCAGGACATGATTGTGG
GCTCAACACCTTCTTTATTGTGATGACCCTAATTTTTGCATTGTTTTCACAGTTGTTGCACTGCACCCTGC

>trans_s_2617 XM_002313880|Populus trichocarpa single myb histone (SMH901), mRNA

GAGAGAATCATAATTTTGACACCTCCATTTTTCTTCCTTGCTGCTGCAAATTTCAACCGAATTTTGAATGTTG
AGCCTCCAAAATCCTAACTCACATCATAATTCCTCTGGAGTTGGCCTTGAGCGTGAGCCTTCTTTTTGCTGCTT
TTGATGGGTGCTCCGAAGCAGAAATGGACTAGTGAAGAAGAAGCAGCTCTGAAGGCTGGAGTTGTTAAGCAT
GGAGCAGGAAAGTGGCGGACGATACTTAAGGATCCTGAATTCAGCAGTGTACTCTATCTTCGTTCAAATGTTG
ATCTCAAGGACAAGTGGAGAAATATGAGTGTGATGGCTAATGGCTGGGGATCTCGAGAGAAGGCCAGGTTG
GCACTTAAGAGATTACATGCTCCTAGAAAAGACGAGAATGCTGTGGCTCCAAGTGTTGCTGCCCAAAGTGAA
GACGAATTGGCAGAAGCCAAGTCTGTTTCCCTTTCCTTGGATATCAAGCAGATAACCGGTCCAAAGCGATCTA
ATGTAAGAAAGGAAGAGGAGGAGGAAGAAGAAGAAGAAGAAAAGAAGCAGAAAGAATAGAAAGGGA
TGCAAGATATGATTGCCATAGACTGGACAATCTTATAATTGAGGCCATTACTACGCTGAGGGAACCCGGTGGC
TCTAATAAGACAAAGATTACCCCGCATATAGAGGATCAATACTGGGCACCTCCAGACTTCAAGAGGCTGTTAT
CATCAAAATTGAAGTTCTTAACGGCTAGTCGTAACTGGTCAAGGTTAAACGAAAATATAGGCCTCCTTCTGT
GGCGCCTTCAGAGAGAAGGAGCTCTATGTTATTGTTGGAGAACAGCAAAGAGCTACTGTAAGAGCTGACAAG
GATGAAATGTGTATT

>trans_s_2618 XM_002870397|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata auxin-responsive family protein,
mRNA

AACCAATAATCCCTATTCCCTCCATCTCAGAAACAACATCTCAACAACAAAACCTGAAAACAATTACCTGAAATC
CATTAGTCCACCATGGGAATGAAGCTCCAAAGCTATTTCTCTGTTTTGATCCTTCTCTTTATGCCTCTCAGC
CTCAGCTCAAACCTTGAGAAGCTACAATGGATTACCAACAACGAAGTATTTGCAGCTTGTGTAGATCATCCA
GTACTCAACTCTTTCCTTCATTGGACCTTAATTCAATCAAATAATACCTTGAGAATTGCTTTCAGACGCCCTTCTA
CCGGTCCTAATCAATGGATTGCTTGGGCTATTAACCCACAAAGTCTCAACATGATTGGCTCTCAAGCTCTTGTA
GCTTACAGAAATTCCTCTGGAATCGCTCGTGCTTACACTTCCAATGTGGCTTTGCCTGGTCCAACCTGCAAGA
AAGCAGCATAAGCTTTGAAGTTCTCAACTCAGAGCCACTTATGTCAATAACGAAATGACCATTTTTGCTACCA
TTATTCCTCGAGAAAATCTAACCACAATTAATCAAGTATGGCAAGAAGGCCCTTTGAATGGAGATTCTCCGGCT
TCTCATGCCATAACAGATGCCAACAAAGCTTCAAGAAATACCCTCGATTGCTTACTGGATCAAGCACAGCAG
CTTCGGATACCGTTCAAAAGAAGAGAAACACTCATGGAGTTTTGAACGCTGTTAGTTGGGGAACATATGATGCC
TATGGGAACAATTTTCGCTAGATACTTGAAAGTTTTCAAAGGAGCAGATCCAGCTTGGTTTTACCTTCACGTTG
GTTGTCAGGCCTCCGCCTACGCCGTCGGTGTGCGCGGTTGGGGCACCGGTATAAACTCGGCAGCGATTCCCT

>trans_s_2619 NM_121029|Arabidopsis thaliana NRPB4; DNA-directed RNA polymerase (NRPB4)
mRNA, complete cds

ATCTCTCCCTTTGTTTAATAACAGTTCATTCGTTTTCTTCTCTCCGGCACTACTGCGGTAGCCAAACCCCTCT
CGCCAGACACCTATCACCACCTAACAAACCATCTTTGAGTTTTCTTTTACCCTTTCCTTCTCCGCTGCCTCCATTA
TCTGTCGTGAGCACGCTTCAGCAGTCAATTTCTCTATTTCTCCCTGTGCGCCGGCACGCTGCTACCAGAACCTG
CAGAACTCCATCTCGAGGTTGACACAGAACTCCAACCTCAACCATGTCCGGGGAGGAGGAAGAAAATGCTGC
TGAGCTTAAAATTGGAGATGAGTTCTTAAAGCCAAATGTTTAATGAATTGTGAAGTTTCTCTAATCCTTGAAC

ATAAATATGAGCAACTTCAACAGATGTCCGAAGATCCAACAAATCAAGTTTCCCAAGTGTTTGAAAAGTCACTT
CAATATGTGAAACGCTTTAGCCGTTACAAGAATCCCGATGCTGTTAGACAAGTTCGAGAAGTTCTAAGCAGGT
ATCAGTTGGCGGAGTTTGAGCTTTGTGTTCTTGGCAACCTTTGCCCTGAAACTGTGGAAGAAGCCATTGCCAT
GGTACCATCATTGAAGACCAAGGGAAGGGTGCATGACGATGAAGCAATTGAGAAGATGTTGAATGATCTTTC
ATTAATCAAAAGATTTGAGTAGTTAGTTAATTGTGTAAATCCGTTTCTAATGCAGAATTGCACCTTTTATAATT
TAAAGTTACGACTTTATGGTGAGTTTGTGATTGGGATCCTCAACCGTCTTGAGGATCATAACTCTTTGATATT
TATAAGGACTTATTATGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_2620 XM_002879927|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata atoep16-3, mRNA

GGGCTTTCCCANAGCTTCATCAAAAAAGCTTTGGTCATCGTTAGTGACTTGAAAAAGAAAGGGAAATTCAT
GGATGCTTCAGAGCGTAGGTATTTGGAGGATGATGATACGTCGTTAATGAAAACGATTAAAGGGGCAACTAT
GGGATTTGTTTCTGGGACCATTTTTGGGACAATTGTTGCCACTTGGTATGATGTGCCCCGTGTTGAGAGGAAT
GTTGCTCTGCCTGGGCTTGTGAGAACCTTGAAACTTATGGGAACTATGGGATGACATTTGCTGCTATTGGAG
GGGTGTACATTGGCGTTGAGCAGCTTGTGCAAAATTATAGAATGAAGAGAGACTTCGTTAATGGAGCTGTAG
GTGGTTTTGCAGCTGGAGCATCTGTTCTTGGATATAAAGGAAAAAGCATTTCACAGCTCTATCCGCTGGAGC
TGCTTTGGCATTTACTTCTGCAGTAATTGATATTGGTGGTCAAACCACAAGAATTGATACTGGCAAGGAGTATT
ATCCTTACACCACCAAGAAAAGATCCACATTGAGTAGCATTAGGGAACCTTGCAGCAATTGGAAGAGAAGA
GTTGGTTGGCTTTCTTTTTGGTTTTCAAGAGATGTAATTATACTCTCAGTTTCTTTGAGTGAGCTTAACAGG
GAGATGGTTGTATGAATAAAAGGTACTGTCAATTTGTTTATCTTGTTTTGGTTAGTTTTGGACTTACCACCATT
GATACAAGTTGGAAGCCTTTTTATTAGCAATTTAGGAATATGAATATCAAGGTGGTTGTGAGAAATTGTTAATT
GCACTCTTTTTTCTCTTTATTAGGGTAATTTAATATCTCAACTTAAATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_2621 AF428357|Arabidopsis thaliana At1g74450/F1M20_13 mRNA, complete cds

TGTAGACCTCCGATGGATAGGATGGTTTCGGATTACTTGGAGAGGAGTGTGAAGGCGCTCGATGTTTGTAAAT
GTGATTAGAGATGGGATTGAGCAGTTGAGGCAGTGGCAGAAGTTGTTGGAGATTGTGCTTAGTGCTTTGGAT
AATTCTAGTTACAAGAAGATTCTTGCGGAGGGCCAATTTGCCGTGCGAAGAAGGCTTTGATTGACTTAGCCA
TTGCAATGCTCGACGAAAATGATGCCAATTCTCCGGCTATTGCTCAGAGAAACCGTTCAATTTGGACGTAATAAC
GGTACCAGAGACCGTAGGTCTTTGGGGCATTTCGGTTCGCTTTCATGGAGTGTTCGCGTTCCTGGTCAGCCG
CTAGGCAGCTACAGGCAATTGGGAGCAATTTGGCTGCTCCGAGAGCGAATGAGATTGTGCTTACGAATGGGC
TTGCGGTCCCTGTATTCACCATGAACATGGTATTGCTGTTTGAACGTGGGCTTTGATAGCGGCGATTCCCTTGC
CAGGACCGTGGCTTACATGTTCAATTTTCGCTTCCAGACAGTTCTCATGGGCGGCGCCAATGCTTTCTCTTAC
GATCGGATTTTGAAGAATCGAGACGGCGGGAAGAAGAAATGCATGTGGGTTGTTGAAGGAGATTCATCA
GATTGATAAATTTGCGCATATTATGAATGAATTGGCTGATACAGCACAATTCCTTTGACAAACGAAAGGGAA
GAAGAGGTGAGGCGAAGAGTGCAGGAGCTATCTCAGATTTGTGAAACATTGAAGATTGGCTTGGATCCTCTG
GAACGTCAAATTAGAGAGGTGTTTCATCGAATTGTGCGCTCAAGAACTGAAGGGCTTGATTGTTTAGGACGA
GGAAATACCCATG

>trans_s_2622 X77763|N.tabacum NtK-1 mRNA

ATTCTCCTCTCCTCCTTCTCTCTCAGTCAATTCTCTCTCTTTATCCCTTCTAACTTGGTTGCTCAAGCAAATTGG
GAAAACCCCATTTGCACACAACAAACAAGCAGTTGTTTTGTTGTTCTTCTTCTTCTTCAAACAAGTCTCCAT
CATCATCATCTTCTCGTTTCTAAGAAGATTGCTTGCAGAAACCTGTTTTTGGACCTGGGTTTTCTCTAAAAA
CATCCAGTTCCTTCTGCCTTTGAGCTGATCGGTTGGTACTTCTTTAGATAAGTAGTTGTATTAGAGTTAAGA

ACGTGAAGTTTGAAGGATATTTTCTGCATATACATCTTGAAGCAAATGACATCAGTAACCGTAGCTCCAGCTTC
TGTGATAAGGGATCATGGTGGGAGTACAATCGGTGTTGACCGGCTGCCTGATGAGATGAATGATATGAAAAAT
TAGGGATGATAAGGAAATTGAGGCCACCGTTGTTGATGGAAACGGTACTGAAACAGGCCATATAATTGTAAC
AACCATTGGTGGAAAGAATGGCCAACCAAAGCAGACTATCAGTTACATGGCCGAGCGAGCTGTAGGACACGG
TTCTTTTGGAGTTGTATTTCAAGGCAAATGCTTGAAACTGGTGAACAGTTGCAATTAATAAGGTTCTTCAG
GACAAGAGGTACAAGAATAGGGAGTTGCAGACCATGCGTCTTCTAGACCACCCAAACGTTGTGTCCCTGAAG
CATTGTTTCTTCTCAACGACAGAGAAGGATGAGCTTTATCTTAATCTTGTCTTGAATATGTCCCTGAGACTGTT
CATAGAGTGATCAAACATTTACACAAGATGAACCAAANGATGCCACTGATTTACGTCAAACCTCTATTTTATC

>trans_s_2623 NM_114358|Arabidopsis thaliana RPL9 (RIBOSOMAL PROTEIN L9); structural
constituent of ribosome (RPL9) mRNA, complete cds

AGAGCTTTTCAGTGTGTGAAAATTGAAATGGCTTCTATCACAACCTGCTCTGTCGTGGAGTTCTTCCCTTGTGGA
TATGGGTCTACCAAATGTAGCTGGAAACATCGAAGAACTGCCAAGTTCTCATATGGAAGGACCGCCATGGCT
GTTGTGGCGCAAAGAAGGCTTCGAAGTCAAGAAAGATAATTTTGAAGGAGGATGTTCCGGACCTGGGAAA
GAAAGGGCAGCTTATTGATGTGAAGGCTGGGTATTACAGAACTATCTGTTCCCATGGGCAAGGCCAGAT
TGTAAGTCCAGTTTTGCTCAAGGAAATGCGGATTGAAGAGGAAAGGATCGAGGCTGAGAAAAAGCGGGTAA
TAGAGGAGGCACAGCAACTCGCTCTGATTTTTGAACTGTTGGAGCTTCAAGGTGAAACGAAAAGGTGGAA
AAGGAAAACAGATATTTGGAAGTGTACAGCACAGGATCTTGTGATATTATCAAGGCACAACCTTCAGAGGG
ATATCGACAAACGATTGTTGTTCTTCCCGAGATCAGGGAAACAGGAGAATATGTTGCAGAGTTGAAGCTTCA
CCCTGAAGTTACTGCTCGAGTGAGAGTGAATGTTTTTGGCAACTGAAATTATTTCTAGATAACAAGTTCATGTA
GCAGCAACACATTTTTCAAAAGGTAAATGATAACATCATTTTGAGTTTATTTTCATCATATTCATCTAAACGTTT
CGAATATGGTGATCTTTTTTTGAAGTGGACAATTTAAATTTTTTAACCATCTTCTAAGCCTTGAAAAATCATTGG
ATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2624 NM_104107|Arabidopsis thaliana AtRABG3d (Arabidopsis Rab GTPase homolog
G3d); GTP binding (AtRABG3d) mRNA, complete cds

ACACCACCAATTTTAGTTTTTCAGAACTAAAATTTTCCCTTCTTCTTCATCATCCTCTCTTTCTTTCAATTCGTAA
TCTCTAAAAATTCCCTAAAATTTTCACCAATTCCTGTTTTTTTTTTCATCCATGGCTTCTCGTAGGCGCATACTTT
TGAAAGTCATTATCCTTGGCGACAGTGGCGTGGGGAAGACATCGCTAATGAATCAGTATGTGAATCGTAAGTT
TAGCAATCAGTACAAGGCGACTATTGGAGCAGATTTTCTCACAAGGAAGTTCAGCTCGATGACAGGTTATTT
ACGTTACAAATTTGGGACACAGCTGGGCAAGACGGTTCCAAAGTCTTGGAGTGGCATTTTACCGTGGTGCTG
ATTGCTGTGTTCTTGTTTATGATGTGAATGTTATGAAATCATTTGATAATCTTAACAACCTGGCGAGAAGAGTTT
CTAATTCAGGCGAGTCCGTCTGATCCTGAAAACCTTCTTTTGTGGTATTGGGGAACAAGGTCGACGTTGATG
GTGGGAACAGTAGAGTGGTTTCTGAGAAGAAAGCTAAGGCGTGGTGTGCTTCAAAAGGAAACATACCATACT
TTGAGACGCTGCAAAAGAAGGATTCAATGTCGATGCTGCATTTCAAGTGTATAGCTAAAAATGCCCTTAAGAA
TGAACCAGAAGAAGAAATATACCTTCCCGACACGATTGACGTTGCAGGTGGACGGCAGCAAAGATCAACAGG
GTGTGAATGCTAAAAATGTTAACTAACTAATGGATTCTGTCTACTTCTTCACTGTATCTTTTCTGTTTAATGG
TTCTCACACTATATGGTCAATTGTATTAACATGTAGTGGTCTAGAGATTGCTGGTAAAGTGTCTACGTCTATT

>trans_s_2625 NM_126210|Arabidopsis thaliana phytanoyl-CoA dioxygenase (PhyH) family protein
(AT2G01490) mRNA, complete cds

TTTCATTTCTTTCAAGTTTGAGCGAAAATCCAATAGGTAGTGCTTGGAGTCAACTCCACCATGGGAATTGTTCTT
AATCTCAATTCCGATCAACTCCAATTCTTCACTCTCACGGTTATCTTGTGATTGAATCATTCGCCACTCCAGAT

GAAGTTCATGCCATGAGAAACCGGATGGAAGTGTGCTTCATGGATTTGACTGCTCCACTTCCTCTGTTTTCTC
TACTGTTAATCAGCAGCTGTCTACCGACGATTACTTCCTACAAAGCGCTGAGAATATTTCTTCTTTTTTGAGG
AAAAAGCATTGGAGAGAATGGAAGTGTGAAACAAGGAAAGAAGCTCTCAATTAACAAAGTTGGTCATGCAT
TACATGAGTTAGACCCAGTTTTCAAAGCTTCTCCGACTCTGAGAAGTTTTCAGGTTTATTGTTGTCATTGGGA
TACAAGAGGCCGATAGCCATTAGTCTATGTACATATTTAAGCAACCAGGTATTGGAGGTGAAGTAGTGCCTC
ACCAGGATAACTCGTTTCTTTACACTGAACCAACTACATGCACAGGGCTGTGGCTGGCACTTGAAGATGCAAA
TACGACAAATGGCTGTCTTTGGGCTATTCCTGGATCACATAAAATGGACTTGTTAGAAGGTTTCTTAGAGGC
GACAAAGGAGTGTACTTTGATCAGCCTTCTCCTACTTACGACAAGAAAGATTTTGTGCCTATTGAAGTGAAAG
CTGGATCTTTGGTTGTCATTCATGGAGACGTTATTCATCAAAGCTTTGAGAATCAGTCTCCAAATCAAGACAT
GCGTATAGCCTGCACGTGGTGGATACGAAAGGTTGTGTATGGGCTCAAGATAACTGGATTAGGAGAAAAGTG
CAAC

>trans_s_2626 AY338488|Medicago truncatula cyclin T1 mRNA, complete cds

ACCAGTAAACTATATACTTATATACGTACATGCAATATATAAGTGTGTGTGGAAGAATTATATTTTCTTCTGAT
GTGTATTTTGTACGACGGTGGGAATTTTGGGTGTATTTATATGTGGGGTTAGCTTGCATGCGTTCAAGCACGA
TGAGATGAGAGTGCTTGATGACATTCCAGACCAATCAACATTTACCTCGTTTAGAGCTGAAGATGGCGGGTT
GCTTTGAGAAGTTTGATTGTTGGCGACTTTTAGTTTCGGTTGCATTAGTCTCTGGAATCAAAGCCCCTGCTGC
CAAATTTACCTGGGAGTTTGATGTATTCTGTATATGGGGTATAACATATGTCATATGATAATGATACTATCGGC
AATCTTCAGACATTCTTGGAATATTCCACCTGAGCTGCTGCGTTTTAGTTGGCTAAGGAGCTCACTTTGGCT
TCAGTTTAAGCCCCAGCAGATAGCTGCTGGAGCTGCTTATCTGTCTGCCAAGCTATTGAATATGGACTTTGCTC
CTTATCAAATATCTTGCAAGAGTTCCAAGCAACGCCAGCCATTCTCCAAGATGTGGCCACCAGTTGATTGGA
GCTATTCTGAAGATGAAGCACACCCAGTGAAGTGAAATGATGGGAAAAGATAACATGTTTGTGATTCTTACGT
CCAAGTCCTCAATAGTCAAATCCTGACAGTTGGTTTAGGTTATAGTATGACTATGTTGGAAGGTTTAACATGAA
TGATTCTTCATTCCCTTTCCATGTTCAAGACAGTGTTTTACAAGTAAAGTAGGAAACACGTATTCATTGGCGA
ACGGAGTCGGATGGTTATACAAAAAAGCCTCACTTATGGTCTGCCCTCTCTCACATTGGCTCTTTTGATTG
C

>trans_s_2627 AB576162|Solanum lycopersicum LLP mRNA for LOV/LOV protein, complete cds

ATGGAAAAATGGGTATTTGGGACGAAATTTTGTGATCACAATCTACGCGATATTTTTCATTATTATGTTAGTA
ATATGGTGAAACACTCGCCGTTACCAAGTCTACTCTCTCAGTGAGGACCCCTTCTGATTCCATGATAAGGATTC
AATTTAGGGTTTTTGTGTTTCTCCTTGATTTTACAAATTGTAGTTCAAAGTTTCTTCGAGAGACTGAAACCG
CGATTTGAGTGACACATGGGATTGGGACTAATCCAAATTTTGAAGGAAGAAACAAGATTCTGTCCAACAATTTG
ATGAACCAGGAGGATGGAATTGCCACTGGGTTTGATTGAACAATCGCTTAACAGTCGTTATTCGCTATGGGTT
CGTGAAGCTCTTAACAATTTGTCGGATAATTTTACAATAACTGATCCCAATATAGCAGGTCACCCAATAGTGTT
CGTCAGCCCTGGATTCTTGAAGACGACTGGATATACCAAAGAAGAGGTGATTGGCAAAAATGGGAGAATGTT
TCAGGGCCCAGAACTAGTCGGAGCTCAGTAATGCCAATTCGTGAGGCAGTTCGTCAAGAGAAGGAGATTCA
AATTAATTTACTAAATTATCGCAAAGATGGGACACCCTTCTGGGTCTTTTCCAAATGACCCCTGTTTTCAGCAA
GGAGGATGGACGAATCATCCATTTTGTGGGTGTTGAGGTGCCAATTTTGAAGAATTCAAGGAAATCTAGACGT
GGGTTCTTAAGAATACAAGGTGTTTCATATGAGAATGAATTTAGAGCTTGCAAAAGTTTTTLAGGGTCCTGTC
GCCGAGAGTTGATGTCTGATTCTATCTCGGAAGTATGTTGACTTTGAATAGAGACCCACAACCGGATTCCGA
TAGTA

>trans_s_2628 NM_127619|Arabidopsis thaliana NFD6 (NUCLEAR FUSION DEFECTIVE 6) (NFD6)
mRNA, complete cds

GGTTTAGCATTTTCAGTGCCTAAATCTAAGACGGAGCTCCCTTCCTTCATCCTCGCTCATTCCACATAATTTCTC
TCGATTTACCCATGGCTTCCTTTGCCGCCAGGGCCATTTTCCGATCCTCCTCCGGCAAGACTGCCACTCTTCTGA
GCGCCGGAGCCAGAGCTGCTCCGGCTCGTTCACCATTTTCGCATTGCTTCCAAACGACCTTTCTCCCACTCCTCTT
TAGGATTCCGATTGAAATGAGCTTTTGCCTGGAGTCCATGCTTCCATTCCATTCTGCAACTTCTTCGGCATTAA
TGACTTCGATGCTTTCTGTTTCTCCCCATAGTTATGGTTGGCTTTCAGAAGTGTTCAATGATGATGTGTGATGAC
GAATGGTCAAGGGGCGGGAAGTTTTATGTGCAGAGTTCTACACTGTGACACTGCAACTGCTAAATTTTGTGAA
CTGATCTGCAGGAATTTGGTTTCCCAAGTCTTGGCTTTCATTCTAGTTTGCACGTCTTAGATTCTGAATTTGTGT
CACTATGGACTACTAGTAAAGTGATAGGAAGAGATCCCCAATCAATAAACATTTGAGTTTTATTGAATAGA
AAGGCTTCAAGAACTGAATTCACAAAGTCTTATTATGTTGAATTCCTTATAGGATTGTCTTGAATAAGAGGA
AGGATTCTTCTCCAGTTGTATGGTACTCTGTCACTTAAGCTATGAACATACTTCACAGTTCTGATGGATG
CTTGTGTTACGACTTCAAAATTTGTTAGATTGCTGAATGTATGAACTCGAAAAGATTTATTAATAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2629 NM_101881|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT1G20300) mRNA, complete cds

CGGCGGTATGTGAGAGCTGGATTGGCGGCGGAGGCAGTTCATGCATTTAATCGCATGGAGGAGTATGGCTG
TACTGCTGACACCGTTACTTTCTCCATTGTTATCAGCATTCTGTGCAAGAAGAGAAGGGCAGTTGAAGCCCAAT
CATTTTTTGATAATCTAAACATAAATTCGAACCTGATGTTGTTGTGTACACTAGCTTAGTTCATGGATGGTGTG
GAGCAGGTGATATCTCAGAGGCTGAAAGGGTATTTAAAGAGATGAAGATGGCAGGTATTAGCCCTAATGTTT
ATACTTATAGCATTGTGATTGATGCATTGTGTAGATCTGGTCAAATTACTCGTGCCCATGATGTTTTCGCCGAG
ATGCTTAATGCTGGTTGCAATCCAAATTCAGTTACATTTAACAATCTTATAAGAGTTCATGTGAGAGCTGGTAG
AACAGAGAAGGTGCTGCAAGTTTATAACCAAATGAGGAGATTGCGTTGTGCTGCTGACTTAATTACTTATAAC
TTCCTCATCGAGACTCATTGCAAGGATGAGAATCTTGAGAGGCTATAAAAGTCCTCAACTCAATGATTAAGA
ATGGTTGCACCCAGATGCGTCGTCTTTCAACCCTATATTCAGGTGTATCGCAAAGTCGCAAGATGTAAATGGT
GCACATCGGATGTTGCTAGGATGAAGGATGTAGGATGTAAGCCAAATACAGCGACATACAATATCTTGATG
CGAATGTTTGCCGTACCGAAATCTGCTGACATGATTTTCAAGTTGAAGAAGGAGATGGACGAGGAAGAAGTT
GAGCCTAACGTTAATACATACCGAGAAGTATAACATTATATTGTGGGATGGGGCATTGGAACAATGCTTAC
CAAGTTCTT

>trans_s_2630 M64737|Ricinus communis ATP:pyruvate phosphotransferase (PK-p-beta) mRNA,
complete cds

TGATCGAATATCCTACACCCACCAGAGCTGAAGTGGCTGATGTTTCTGAGGCGGTTAGGCAGTGATCAGATGC
TCTAATGCTGTCTGGTGAGTCCGCCATGGGCCAGTACCCTGACAAGGCATTGGCTGTTTTGAGAAGTGTCAGT
CTAAGAATTGAAAAGTGGTGGAGGGATGAGAAACGCCATGAACCTATGGAACCTCCAGAAGTTGGATCTTCA
TTCTCAGATAGTATCTTAGAAGAGACCTGCAATTCGGCTGCTAAAATGGCCAATAATTTGGAGGTAGATGCCA
TTTTCGTCTACACAACGTGAGGCCACATGGCATCTCTTCTGTCCCGTTGTCGACCTGATTGCCCAATCTTTGCTT
TACTTCCACAACATCTGTTAGGAGACGTCTTAAGTGAATGGGGATTGATACCCTTCAGACTGAGCTTCTCC
GACGACATGGAAAACAACCTCAACAAAACATTTTTGCTGCTTAAAGCCAGAACTTGATCAAATCAGGTGACC
TTGTAATTGCTGTCTCAGACATGTTGCAATCTATCCAAGTTATGAATGTTCCGTAAGGAAGAAGGGGCTCGGT
ATGGTTCCTGCTGATGTTCCATTCTTTAAATTATTTAACATAATCAAAGTTTTCTGGATCTGCTATTTAGTTGCT
AGGAAAATCGATGGAAAACAAGCTTCAGGTTTTAGTTGGTTGAACTCTGATTGCTTGCTTTATTTCTTTCTTA
TTATGTAACATTTTAGTGGCTATCAGATAAGTGTCTATGAACAACTTGGTTTACGAGCTATTTATGTAGTTTT
TGTGATAACAATAAGTAATATTGTGATTCTGCGGCATTCTGTTGAAAATTGAAGCATCTGGGAGGTGCGCT

>trans_s_2631 XM_002867209|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata vesicle-associated membrane protein 7C (VAMP7C), mRNA

TGATTTTGATTTTTTAAAAACCTAATTCAATTCCTCTCTCTCTCTCTTCGATGATCTTCAACGCCTAAATTTCA
AGCTGGCGTTGAGAGAATCAAGATCCTGATCTTCCCACCACGTACCGGCTGCTTCAATTCCTCATCGACGTA
CTTTTGCAGTCGATTTTATCCTAATAAATCCACCAACCAATCATCTCTCATGGCGATAATTTATGCGCTGG
TGGCAAGGGGATCGGTGATTTTGGCTGAATTTCCGCAACTCCCACGAATGCTAGCTCGATTTCTCGCCAAATA
CTCGATAAGATTCGCGAAACGATGATTCTCATGTTTCCTATTCTCAGGATCGCTATATCTTTCACGTCAAGCGT
ACCGATGGCCTTACGGTGCTTTGTATGGCCGATGACACTGCCGGAAGGAGGATTCTTTTGCATTCCTGAAG
ATATTCATCAGAGATTTGTAAGGACATATGGCCGTGCAGTTCATTAGCCAATGCTTACGGCATGAACGATGA
ATTCTCAAGAGTTCTGAGTCAGCAAATGGAATACTACTCCAATGACCCAAATGCAGATCGGATCAACCGGCTG
AAAGGTGAAATGAGCCAGGTGCGAAATGTCATGATAGAGAATATTGACAAAGTTTTAGAGAGAGGTGATCG
ATTGGAGCTGCTTGTGGATAAACTACTAATATGCAAGGAAACACCATGCGATTTAGAAAGCAGGCTCGACG
TTTCAGAAACACTGTTTGGTGGAAAAATGTTAAGCTTGTGGTAATGCTGATAATCCTCCTCCTAGTGATTGCTT
ACCTGGTTTTGGCTTTGTTTGTTCATGGAGTGACATTACCTACCTGCCCTATATGACAACAGCAATTTGTCTTG

>trans_s_2632 FJ442210|Solanum pennellii stress-associated protein 11 (SAP11) gene, complete cds

GGGTGACCTCTAAGTTTCCAACAAACCAATAAATCTTCTTCCATAATTTTCATCCTTATTTCTATTCTTTTTCAT
TTCTAAATCCAAAACCTTCCCACAAACAAACCACCATGGCCGCCGCCGAGGAACAGAGGCTTTCCCCGATCT
CGGCCGCCACTGCCAGCACTCCGATTGCCACCAACTCGATTTCTCCCTTCACCTGCGACGGTTGCCAAAAGG
TTTTCTGTTTCGGAACATCGCGGTTTCAAATCCCACGACTGCCCTGAATCCGATCGGAACAGCAGAAAAGTTGT
GGTCTGCGAAATCTGCTCGACGTCGATCGAGACCACTGGGAAGGACGGCGGCGACGAGACCAAGATTCTGG
AGAGGCATCACGAATCGGGAGATTGCGATCCAAGCAAGAAGAAGAAGCCACGTGTGCGGTGAAGCGGTGC
CGGGAAATTCTTACGTTTTCAATACTTGTGTGTGCAAAACCTGCCGGCTGAAAGTGTGTTTGAAGCACCGGT
TTCCGGCGGAGCATGGTTGTGGACGTCCGTCGTCAACGGCAGGGGCGGTGGCAGATAAAGGACGGTGGAAT
GAGAAGTTTATGGCGGCTTTGGGGTTGAGGAGCGGCGAGGATTGTGGGAAGAGGGAACGGCCAAGGACGG
GGGCGAAGGGATCTTCTCCGACCGCCCCATCCGTTAAAGCTTGTTGATTCCAAATCAAAAATGAAAAGAATGC
TCATAATTATCAAAGCCTCTCTTCGATAATCAAAAACCTTGATGTAGCCTTATAAACTTTCTGTTTAAAAGATG
GATCTATAATTTACTTCTACATTCTGTCCTCTTTATTTATATATATATTATATCCATTGAAATTGATTAATAAA
AAAAAAA

>trans_s_2633 XM_002305006|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

GGACTAAAATTGAGAGTAGTTTGGACGATTAGCTCACTAATCGCGGCCTCGGCAAGACATTACTTACTGCAGC
CGATAATTGCAGAGCATAAACTCTGGATAATTTAGTTCTAACTGATGCAGATGGACAGGGGATGTTGTGTAT
GAACAAGGATCAACTTGAGGAGTTGAGAGTGAAGCCCTTGTGAGCTTCAACTGCGTCAAAGAGAACGCTTGT
TCCAGCTCTGAATATGAGGCTTTGGTATGCGCCTCACTTGGAATTACCTGGTGGGATTATTCTGAAAGGGCA
ACTCTTGTTGCAATTCGTCCAAGCGAGCAGTCAATGACAAAGAAAGAAGTTTCTGATGGGTGATGGCTTTCAA
ACGCTTTTCGAGGAACCTTATGGAACCGCAGCAAAGATACTGGTGAAGAGGAGAACTTACTGTCTTGAGATGA
ATTCTTTCTGATAACTTCAACTGGATCTGAGCACGGAATGGTGGAGAGATAAAGGGAAGATTGACTCTGGCG
GAAATACCTTATTTTCATGCATCGCCAATCTTCCATGTATTATGAGGTGAAAGCCTAACCCACAATCAAATTGCA
GCATGCTCAGCTTTCCATGGTTGATTTAGATTGAGGAACGGGTGACTACTGCTTAAACAATTGCGATAATTGA
AATTCTTCCTCTACTTGGCCTTTGTTTGATAATACTACTTGCGAAAGTGCAAAAAATACAAATAGAGAGATGTT
GTTGTAAAAGCCCTGTTGTAGTGTTTTGTTTCTTATATGTGAATATGATCTAGTTTTATCAAGTATTTGCATCCT

[illegible]

TTGGTCAGACGGGTCCTAAGGTGGGGAGTTTCGATGCTGGCTATGGAAGTCCATTATGTCCCGTTTGGTTGG
CCCTAAAAAGCACGAGAAATGTGGTTTCTTACCAGATTCTATTCTGCTCCGAAGCAGATAAAATGGGTCTC
GTCAACACTGTAGTACCTCTGGATCAGCTGGAGCAAGAAACGATCAAATGGTGCAGAGAGATTCTAGGAAC
AGTCC

>trans_s_2637 AY104575|Zea mays PCO138774 mRNA sequence

TTGAAGCCAGGGGTTTTATCAGTACACGAAGGGAGCGATATCAAAAAGTACTTTGTGAGCAGTGGTTTTGCAT
TCATCCATGGAACTCATACGCTGACATTATCGCTGTTGAAGCTGTGCCTGTAGATCAAATTGATGCTGCCAA
GTACACAAGGGTCTCGCCGAATTCACCCAAAAGTTGAACTCTGCCTCAACAGACTTGAAGAAAGCCGAACCCC
AAATCGGAGTTGACATACACAGTGTCTGAATTCTGCTCTTACCGGATAGTCTCCCTGGCTCGAAATCGGCCA
CCTTTCGGGTTTTATCTATTTACCAATTGTATGTTCAACACTGCCTCATTGACAGTTTGAGGTGTCTTCTTTGG
TGGAAATACCCTCTGGAACACATCAAAATGAGGACGATGATCGTGAAAACAACAATCGAAATACAAGGAA
GAGGGGAACAAAGAATTCTAATCGACAACACTACGGGAGAAGCCAACGTCTTCCCGATCGAAATTCTCGACTTG
AACGTGAGTTACATGGGAGAGAAGACGATGGTGGTGAGTATGACGTGTGAAAGAAGAAACGACGCCGTATT
GAAAATTTGTCAAGTGATTGAATCTTTGAAGCTGAAGATAATTACGGCCAATATTACCGTCGTTGCCAATAGG
CTTCTCAGTACGCTCTTCCTTGAGGCAGAGAGAGCAGAAGAAGAGGAACTAAAGATAAAATTAGGGAAAGCA
ATTGCAGCCATTAGTGATCAACAAAATCCTATAAGCTTTTGATAAACCCCATAGGACATGTTCTTTTTGTGGCTC
ACAACCTTTGTCAACTAATTAATTTCTAGTACTAGATCTTCTTTCTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_2638 NM_117049|Arabidopsis thaliana transporter-related (AT4G09810) mRNA,
complete cds

AACTCTCAGCTCCTCCATTTCAATTCAATCTCCTTCTTCTCTGTCACTCTCTTCTTCATGCTTCCATCCATTTG
ACGTGTATATCGTTACTTCTGGTGTAACCTGTGGAATTTGTGTAGATGTGATCCAATTTTCATGGAAGCTGAGG
GATAAAGATTTTTACCGAAGTCGTATTAGGGATTTTTTTTTTTTGTGGAAATGGCTCCATCTAGCAAAGCTG
ACAAGAAAGCGGCTGTAGACGCAGCCGCGTGATGTTTAACGTTGTAACCTTCTGTTGGAATTATAATCGTGAA
TAAGGCTCTCATGGCTACCTATGGCTTCAGCTTTGCCACAACTTTAACAGGTTTGCAATTTGCGACAACCACCTT
GATGACTGTCAATTCTAAGGTGGCTTGGTTATATTCAAGCATCCCATCTCCCTCTACCAGAGCTTCTAAAATTTGT
ACTATTTGCCAACTTTTCATTGTTGGAATGAATGTCAGCCTGATGTGGAATTCAGTGGGATTTTATCAGATTG
CAAAGCTAAGTATGATTCCTGTCTCTTGCTTGTGGAAGTCGCTTGGACAAGATTCGGTACTCCAGAGATACG
AAGTTGAGCATTGCAGTTGTTCTCTTAGGTGTTGGAGTATCCACTGTTACTGATGTCAGTGTTAATACCAGAGG
CTTTGTTGCAGCCGTTATCGCCGTGTGGAGCACTTCTCTGCAGCAATACTATGTGCATTTCTCCAACGGAAGT
ATTGCTGAGTTCCTTCAACTTGTTAGGACATACGGCTCCAGCACAGGCCGGCTCCCTTCTATTGGTCGGACCT
TTTCTCGACTACTGGTTGACGAACAAAAGGGTAGATCGATATGACTACAATTTAGCCTCTAATATTT

>trans_s_2639 NM_001063284|Oryza sativa Japonica Group Os06g0140100 (Os06g0140100)
mRNA, complete cds

TTCTCCATTTGCTAACCTCGAAGCTCTTCGGCGATTGAGAGATGGCGAAGGCCGCTCCCGATTACAGAGTA
ACAGAGCAGCAGTGCAGGCCACCAACGACGATGCATCTGCAAGCAAATATCACGTGTTAGAAAGGGATACA
TGAAAGACGATTACATACATCTTTTGTACGAAAGCCTGTGAAGAGATCTCCAATTATTAACCGAGGCTATTTT
CCCGGTGGGCTGCGCTGAGGAAGCTCCTCTTTCAATTCCTCAATGTTGGAAGTAATACAGAGGAGCACACGAA
AAAGCAGATATTGTCGCTTGCAGCTGGATTTGACACCACGTACTTCCAATTGCAGAATGAGGGTAATGCACCA
CATTTATATGTGGAATTGGACTTTAAGGAGGTGACCAGTAAGAAAGCTGCAATAATTGAATCCTGTAGTCAGT
TGAGAGAAAAAATCAGTGGAACATATCTATATCCCTGGAAAAAGGAGAAATCCATAGTGATCATTACAAGCT

ACTCCCTGTTGACCTCCGTGATATCAATCAGTTAAACGATGTATTGGTTCTTGCTGGTATGGATCCCAGTTTGC
CGACATTTATAATTGCAGAAATGCGTTTTAATCTACTTGGATCCAGATTCGAGTCAGGCTATTGTTGGTTGGGCA
TCAAAAGCATTTTCAACAGCAATATTTTTCTTATATGAGCAGATTCATCCGAATGACGCCTTTGGCCAGCAAAT
GATCAGAAATTTAGAGAGTCGAGGCTGTGCTTTGTTGGGTATCAATGCTACACCATCGTTACTTGCAAAGAAG
AATCTTTTTCTCGATCAAGGATGGCAGACAGCTGCTGCATGGGACATGCTGAAAGTGATAATAACTTGATCG
AAGCTC

>trans_s_2640 NM_112684|Arabidopsis thaliana ATHAL3A; FMN binding /
phosphopantothenoylcysteine decarboxylase (HAL3A) mRNA, complete cds

ATTTGAGTGAACCGGGGATCACAAATCTCCTATTTCTCCGGTCTCTCAGTCTTTCTTCGCCCATCCGTTCCC
GCTCTTCCCAAATTGCAACCATCTCCATCTCCTTCTCTTTGTCTCTCTTTCTTGTTCGGCTCCATTTCTGTGCGA
CTTCAAAGGTTCAACAATTGCTTTAACAACCTTCAATTGGAGCTGGGTCTGGGAGCTTCTTTCATAGGGCATG
GCGTATCCAAAATCTGCTAATGCAGAACGGGAGGTAATGCAAGTTAATAATGTTTCAGAGGAAACCAAGGATT
TACTTGCTGCCAGTGGAAGGTAGCTTCGATTAAATTTGGGAATCTCTATCATTCTTTGCTGAATGGGCAGA
CGTTAGAGCAGTGGCTACTAGGGCCTCTTACACTTCATCGATCGAGCATCTCTTCTAAAGATGCTGTTCTTT
ACACCGATGAAGATGAGTGGACTGGTTGGAACAAAATTGGAGACAGTGTTCTTCATATTGAGCTTCGCCGGT
GGGCCGATATCATGGTTATTGCCCTTTATCTGCAACACGCTCGGCAAGATTGCTGGTGGATTATGCGACAA
TCTATTAACCTCGTGTGTGCGAGCATGGGACTATAACAAGCCACTCTTTGTTGCGCCTGCAATGAATACCTTTA
TGTGGACCAACCTTTCACTGAGCGGCATCTCATTGCAATCGATGAGCTTGGGATAACTCTTATACCACCTGTT
ACGAAGAGGCTGGCTTGTGGGGACTATGGCAATGGTGCAATGGCTGAACCTTCCTAATCTTCTCTACTGTGA
GACTCTTCTATGAGTCACGAATGCAACAAAGTGCCAAAAAATGGTGAGTAGTTAGAACATGAAGACTTTGTCA

>trans_s_2641 Z73940|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB7A

GAAGTCATTTGACACACTTGACAATTGGCACGATGAGTTTCTCAGACAGGCAAACCCACCAGACCCTAGGACG
TTTCCATTTATATTGCTTGGAATAAGATCGACATTGATGGTGGAAACAGTAGAGTGGTCTCTGAGAAGAAAG
CTAGGGAATGGTGTGCTTCAAAGAAAAATATTCCTTACTTCGAGACATCAGCTAAAGAGGACTACAATGTCTGA
TGCTGCTTTTTTATGCATTGCCAAGACTGCATTAGCCAATGAACATGAGCAGGATATATATTTCCAAGGAATCC
CTGAAACCGTCGTGGAGACTGAGCAACGAGGTGGCTGTGCATGCTGAACCCAGAAAGTGAGACTCGGGGGC
TACAGAACTCATCTTTTGGTTCCAATTCTTATACATTTTTGCTGGCTTTGTCATCCATAACTAATCTTTCATTTCA
GACCTTTTATTCCATTACCTAACCGCCTAGACTTGAATTCCTCGTCTTCTTTTCTTGAGGTAAGAAGTTTGTGG
GATGTCATGAGTCTGTAGGATCCATTATTTCAAGGATTCTCACCATCACAGTCTTCTGAGTCAATAGTTTCTGC
TTCTGCCATCTGAATTTCTTCTTATGTTTCAGGACCTTCTTATTATGTTTTTTTTTCTTATTTATTTTTGGCGG
CTTCTGTTTGATTGCAACTCATTTTTGTGGAAGTGAAGTGAACAAATTGGTTCTTTTTTCTTTAACCTTGATTT
ATTGTATAATACCATTATGTAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2642 NM_001049094|Oryza sativa Japonica Group Os01g0242900 (Os01g0242900)
mRNA, complete cds

ACCAAAATCAGGAAACACCACCGCCTTATTAGAAACCGGAGACACCCATTCTCCTTTACGCCAAGCTCCGTCCA
CCCTCCCTCCCAACTTTTCCGGCGAAATCGCAGAAGAAGAGAACTGCGACGACGAGACCTTCGCCGTCGTCTT
GATATTCAAGAAACCTCTCTGATTCTTCTTGCAACAATATGAGTGGCGACGGGAAAAGCAGCGTGGTAT
TCGGCGATCCACATAGTCAATACCATTACGGTACGTTTCAGGGTGTTGCGAACTATTATACTTCTCCTCCACAA
CCGCAACCGCAACCGCAGCCCAATCTGTCGTCGGTTCCCTCAGCCGGTTGCGCCACCCGTTGTTTCTGGTCA
TCAACCATGCTACCATGGTCATTTGGGTTACCAAGCTGTTCTGTTCAAGGTTATGCTATCCTTGAGGGAAGAC

CTTTTCATGAAGCCCGTCTTCCTTGCTGTGGCATTGGCATGGGCTGGTCTTGTTTATGATCGGCTTCTTTCTTG
GTGGCATTCCCTGGTATGTTGGAGCTTTTATTGTACTCTTTGTACGGGTCGATTACCGAGAAAAGCCTGGATAT
GTTGCGTGTGCAATTGCTTCAGTTCTTGCTGTCATTGCTATAACATTTGGTATCACCAACGGAGTTGAGCCCTG
GTGAAGGAAACATATGAAGAACAGTTTGGTCTGGTCAATACCGATGTCACCCTCCCTCTGTATCGAAAAAAAC
AACTGGTGGGATACTGTAATGAGCTTTTGAAATTGTTATTCTTTCAGTTTATATTTATCAACTTATTGGTTTCCTT
TACCGTAAATATGTTGGAACTTCCTGACTTGCCAAAATTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2643 CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

TGAACATTTTATCCATATTCAGGTCGTATGAGAACCTGAAGCTCTGTCTCGCATCTGAGAACCCTCTGAATGTC
TCGCTTGATCTTAGCTCCGGGCTGCTGTACTTCAAGCTTTTCCTTCAAGCATCAGTCTTCTTTTGAAGCCTCAG
TACCTTTTTTGAAGCCACTTTCCGAAAGGCTAGTTGGCTTTTGACAGTGGATGTTATAATAGCTTTCCGTCCT
AAGGTTGATGCTCTAAGAAGCTCAAATCCCTAGGGCTATTTCTAAGGGTTTCTGGGTGGATAAAAGAACTAA
GGCACAAGAATTTGTGACCGGTTCCGTAACAAAAACAAGGCTCAAAGAGTTTGAGAGTCTGCGGACATAT
GGTAGAATAACAAGTTGCACTCCTTTGAAGGATAAGGACTTTTGCTTTCATTCCACAAATCTTTGTGCCTCTT
CTTTTGTGTGAGTCGAGTTATTTCAAATCTAAGGGCTCCTTCTAAGAATAATAAGGGATAATGAATTTTGT
TTCAAATCCTTCGATAATTCTTTGATTCTTACAGATGAATATGGATTAAATTAAGGGTCCGTCCTAGGTTATG
AAATAACTCAATTGCCAGGAGTGGTTCAAAGAATTTGAAAATGAATTCCTTATTCTTAGAAGGAGTGCATTAT
GAAATAACTCGACTCCAAACGTAAAGGAGAGGCTCCGTTATGAGTATAAAGTAAATTCCTTATTCTTAGAAAA
AGTGCATTATTAAATAACTCGACTCAAATGATGAGAGGGGGCAAAGCGAATCTTTATCAAAGAATTTGAGAA
ATCCATATTCAAATTAATGCCACTCAAACCTTTCTTTTCAAATATGAGAGGAATGCACCACCAATTCATCTT

>trans_s_2644 EU082130|Rosa hybrid cultivar myb transcription factor (myb) mRNA, complete cds

CACCACACCACTTGCTTTTTGATATTGTTGTTAATTCGGTGCGTTTCGTTTCTTTTCTCCCTTTTTTCCGATG
CTCATGCCGATGCCGGCCCCGGAGACGCCGTCATGGATGCTGCCGGTGTCACCAAGGAGTTCATGTTGTTTCG
GAGTCAGAGTCGTGGTTGACCCGATGAGGAAGAGCGTCAGTATGAACAATCTCTCTCAGTATGAACATCCTCT
TGAAGCTTCTATTGATGATAATAGCCGCAACAGTAAGACTACTGTCTCTGCCGCCGACAGGAAGGAAGATTCC
GCTGCCGGTTATGCTTCTGCGGATGATGCTGTTCCCAATTCCGGTGGAATCGCGAGCGTGAACGCAAGCGA
GGTGTACCGTGGACGGAGGAAGAACAAGCTTTTCTTGCTGGGATTACAGAAAGTGGGGAAAGGAGATTG
GAGAGGAATTTGAGGAATTTTGTTAAGACTCGAACGCCAACTCAGGTTGCTAGCCACGCCAGAAATACCTT
CTACGCCGAAGCAACCTCAATCGTCGCCGCGTAGATCCAGCCTCTTCGATATCACCCTGATACGGTAAAG
AGGCTGCTGAGGAAGAACAATTCAGTTCAAGATAATTCCTCCCAATTACAATCCTTGTGCGCCTCCACCA
CCTGAACTTGTAACATAAATGTATATCATCCCATGATACCAACTTTTCTTTGTCTGTTTGCCTGCAATTATAC
CTATACCAATTCCAATGGAGACTGATACATCACATGAGTTTAACTTGAGACTGATACATCATCAATTGGTGCT
GAAGTTTTGCCACTCAGTGGAACCACACTTGAGTTAACTTGAATTCGAAATCAACATTAACTCANGAGCTCT
TT

>trans_s_2645 AB000130|Glycine max mRNA for SRC2, complete cds

CCCTCCTGAGTGCTCCGGCACCCAAAGCCATACCACCAAAACCACCACTCTTATGTGGCCTCTGTGCCTGATGC
ACCGGCGCATATCCATACCCTGCCTGCGGCGGCGGTGGGTAACCGCCGTACGCATATCCAGCCTGTGGAGGC
GGTGGATAACCGTACCCTTGAGGCGGAGGCGGATACGCGTAAGCAGTACCTGGCGCAGGCGGATAAGCACC
TCCCGCCGGATATCCGGAAGTAGATCCAGGATAACCTTGAGGATAAGCAGTACCGGCTCACCAGATTTCATA
GCGGGAGGCGGTGGCGGTGGTGCTTGAACCGTGTATTTTTCCCAAATTTATACGAAAATTCGACGTTACCTT
TTTCTTTCCGCTCATAGTCTGACGCTGAAATTAACGGTTCTCTCAGATTTTCCCTCATCTCTTTAGCGCTTTC
ATCCAGCAATCGCTTAATTGGAACAATAACCTTCCCGATCTTCTTATCGCCAAAACCTCCGATCGGAAACAAATT

TGATCTTCAGATTGAGTCGATTGTTCTGTAAGGCAGCCTCATCGATTGTGAACTTCATGAGATAGTTCCAGTGA
GGATCTAAGGTTATTCCTCTTAGCTACCGGAGTCTTCTGCTTCGACTTCCCGCGAGGATCACCAGAGATGGAA
ACGAAGGCGTATACATCCATCTTTGAAAAGAGATTGACATTCTTGAGGCCGTTGGCTCTCTTGATATTGACATC
CAAAGTTCTACACTCCATAGATGAAGAATCAGAAGAAATAGGAAGAAGAAATATTCAAGAAATGGATTGAAA
GGAAAATCGAAAAGCAAATCTTAAGTATTGAGAGATTGAATTGAATAGGAAACGAAATGGGGAATTGAAAG
AAAACGT

>trans_s_2646 NM_001052847 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0219400 (Os02g0219400)
mRNA, complete cds

AGAAAGGAGAGAACTCATATTCACATCACTTGGACCCTGATGTTGGTGTCTCTGTAGTTGACCGTTTCACCTAT
TACACACTAGCCTTCTTTGAGAGATTAAATATGTACGATAATACTTCATTAATCAGTCTTTTCAGTTCATATAAT
CCAAGTTTGTGATGTCGACTGCATATTATAGAACTGATCTATACCAACGTAGATTGGAGGAGGTTCTGTAAAC
GAACTTCTTTGGCTCGGTAATGGAAACAGTTCATACCGATTCTGCTTACAAGATTGTCTCAAGAAAGGACTACA
ACAGGGGTGAACCTGAATTACATCAAGTGTGCGCAGCACAATGAAAGGACATTGATTTCTTCAGATAATCCGGA
TCATTTTAGTGAACCAAGCACAAGGGATGAATATGGGGCTTTAAGAAGTATATGGAGAAGTTTGCATAATAA
GATGGAACAAATTGAAGATGCTGATACTTTTGTGAACTATGGGTTGGTCATTATGCTCCATTCTTAGGGATCT
CCATGTTGCTATCAAGGTGAAGAAGCTGTCCGTATTTCTGTGCATCACTTCAACTTTGAAATTCAGTTGTTTAT
ATGTTTGTCTTAGTGTTGCGTCTTGAATATGTTCCAAAACAATTTTAATACTATGATCAAATTGGAGAATATCC
ATGATCGCCTAAAAATGCTCTTTTAAACAACAGCTGAATCAAGGTTTGGGAAAAGATCTTTATTATCATTTGCA
AATTTCTTCTAACGAGCTGATGATTTGAAAACAATTTTGAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_2647 NR_022347 | *Arabidopsis thaliana* (AT1G60545) otherRNA

AGTATGATGAGTTTCCCAATGATGAAAAGATGCATTGACAGCCAGGATGGTTGAAATGATCAATCAGTTCTC
TAATGAGCTTCACAAGTGCATCGGAACTGACGACACTGCCAATTTCTAATAGAAGAGATCAAAGTCTTGAG
GAATCCAGAGGCATTGGACTTCCCAATTTCTCCCCGAGCCGCTTCCTCTCGATTCTGCAGAGGAAAAGTGAA
CTTAATATCAAATTTACCTGTTGAGTTTGTGATGAAAGTTTGGGATTACATTCAGGTCATTGTCCTTGCCGTGTT
GATGCACCATTCTGAACACTATCCACAGCTCCAGCAGCCCATCAGACGAGCAGGGAAAAGTGTCGTCGAAAG
GATGAAAGATCGATCGATCAGTTGGATAACAGAGGTTGTAGAAATGGAGAAGCTACCGACTACACCTGTGA
TGCAGCATACACAACAGAATGGAACAAGCTCATGACCCAGCAACAGACATTCTTAAATCACGTGCTGGTAAGT
GATTACCGCCAGCTACTGTGTTCCCTCGAGGGGTTTGGAAAAATCGAAGTTGGGAATTTGTGGGAGCATCCAC
ACGTTCTTCAACAGGCTTTTGATCTGAAGATGAGGATGACAGCATACTGGAAGATTGTATTGAGGAGAATGGT
GGACAGCACGGCACTGTACTTGACGTACGGTGTGCAAATCTGGTGAACAAGGAAATCGAGAAGGAGACAA
TCGGGGAGCTGATGAGTCCGTCTGGGGGCGGGATCGAGAGGATGTTGGAGGAGTCACCATCGTTGTCAAGT
AAAAGGGAGATGCATGAAAAGAGTATCAAGTTACTAACGGAATCCAAGGATATTGTTGGGAGCATTGTGGAT
TCTGTTTCTGTCT

>trans_s_2648 NM_129088 | *Arabidopsis thaliana* ubiquitin family protein (AT2G35360) mRNA,
complete cds

ATGAGAGAAGAAGAAAGTTCCCTCTCGGTGAAGACGAAGACGAAGACGAAGACGAAGACGAAGACGAAG
ACGAAGACGAAGACGTGGCGAAATCTTTGGCTGTGTCATGGCGGAGATCGTTGAGGATTCCAATTTCAATCG
GAACATCAGTAATCGCAATCTCCACAAGACACAGTCGAAGTCATTGTTGCAACCATCGGCCCAACGCGCCCC
TCTCGCCTTCTACCCCTTCCACGATCAAGGTGTGCGATTTGCGAAAGCTGATTGCAGAGAGTAGCCGATTACC

GATTGGGAATTTGAAGCTTATTTTACGGGGAAAAATTTTGGATGACTGTAAAAATGAAGATGATGTATATGTG
CGGCTCAATCATGGCGATTCATTGACTGTTGCTGTGAAGCCAAAGCCTCCAGCAGAACATCTTCGTGATGAAT
TTGATGAAGATGAGGATGACCCGAAGTTTAGGCTTCAGAGTCTTCAAGTCGTTTGAAGAAGAAAGTCTACAC
TTTTCTACGTGAGAAGTTGAAGTTTCTGATATCCTTTTGATGGTGGTTTTCTCTCTCAGTCTGAAGGGTTGGG
CTGCTATTCTCCTCTGGTTTATCATGGCACCTGTTGCCCATAGCTGGGACCTTGGACCTTTATATATACTTGGAA
CTGGTTTTTGCATCATTCTACTAAATCTTGGACATCGACGATCTGGGGAAATGAGTGCATATTCCATCTTCAAT
GAAGGTTTCAGAGAGCTTCCAGGGACACTGAATGCCGATCGGCTCGATAGAGATGTTCCGGCTGGGTCAGCTC
TGATCACCTTAATATTTTTATGTACTTGAACAGACAGAAGATTCCTGGAGAAGTTACTGTTGTGTTTTCTTCTC
ATGTGTA

>trans_s_2649 EU737108|Eucalyptus grandis UDP-D-glucuronate carboxy-lyase (UXS1) mRNA,
complete cds

AATCCAATCCTAACAAATTTAAACCCACTCCAGATTTTGATTTTCCTAACCTAAGTGTGTTGAAGTGAAGATCTGA
GGTAATGGCTAAAGAGGGTTCCAATGGAAATCTCATATTTCTCAAAGCCACCACCGACTCCATCTCCTTTGA
GAAGTGCCAAATTTTTTCAGGCAAATATGAGAATTTTGGTGACTGGAGGAGCTGGGTTCATTGGCTCACACCT
GGTCGACAAATTGATGGAAAATGAGAAGAATGAGGTTATTGTTGCTGATAACTACTTCACCGGATCGAAGGA
TAACTTGAAAAAGTGGATTGGCCACCCGAGATTGAGCTTATTCGACATGATGTCAGTGAAGCGTTGTTGATT
GAAGTTGACCAAATATACCATCTTGCTTGCCCGGCATCTCCAATTTTCTACAAGTACAACCCGGTCAAGACTAT
TAAGACGAATGTAATCGGCACACTGAACATGCTGGGACTTGCCAAGCGGGTTGGAGCAAGGATTTTGCTTAC
CTCCACATCCGAGGTATACGGAGATCCTCTCATTACCCCTCAAGACGAAAGCTACTGGGGAAATGTCAACCTT
ATTGGTGTGAGAAGTTGCTATGATGAGGGCAAGCGAGTGGCCGAAACTCTGATGTTTGACTACCACAGGCAA
CATGGGATCGAGATAAGGATTGCAAGGATTTTAAACACCTATGGACCCGAATGAATATAGATGACGGCCGT
GTCGTCAGCAACTTCATTGCTCAAGCAATCCGTAGCGAGCCTTTGACAGTTCAAGCACCCGGAACACAGACTA
GAAGTTTCTGTTATGTCTCTGACATGGTTGACGGCCTCATTTGACTAATGGGAGGGTGATAAACTGGACCCG
AGCACATT

>trans_s_2650 GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete
sequence

ACCTCAAATCAATTCTCTTTCTCTTAATCAATCCTCCAATGGCCGCAATTCACCGCTTCTTACTTCCGCTTGCCCT
AATTTCTCTTCTCCTTTTCTCTGAATCTCTCGCAGCCATCTCCTTACCGATCATGGCCAGAATTCTAATCGGCGA
GGGGACAAGGGTCCGACACCTCCTTGCCGGAAGATCATTAGTAAAAGAGGAGTTCGGTCCGGCGTAACT
GCAGGTCGTTGACTTCGTGTCGTCCGCCAAATGTCGTGTCGTTCTTTAATGTCGGCTCTTTGATTTGTTT
AACATAGCGTTTGTGTTTGCGATGTTCTTGTAATTTTACTCTTATACGATGCTCCATTCAATTCATTTAATTT
TTGTTACACAACTTAAAGCTCGTTGGGATCAAATTGCAAAAACAATCGATCGTGTTTCATGCAAATTGTTTGT
TGATTTGAGCCGTTCAATTTTATATATAGTATTAATAGGTCGATTTGATTTAGCATTAGATTCACAAATCAAAAA
CCAAACTGCACCAAAAAGAATTCATATCCATGGCTGATCTTATATGGTTATGAATGGATTATACAAATTTGAACG
AAAAAAGAAAAAGCTTCAAATTCAAACCCTTCTAATATTAGTCTCTTCTTTTATGTTTCTCCTTCTCTTCT
TTCAATGGATTTCCATTCCCGTTCTATTCCCTCATAAATTCATATCCATGGCTGATCCTAAACCCCTCCATGTT
CTCTTAATAATGGCGCCTCTTCTTCTTCTTGGCCCTCAAACTCAACTCGATCTTCGTCACAAATTCACCAACTC
CTCCAATCTTCCCAACAAACAAATCACAAAAACGCCTCCCTTCTCGATCCACAT

>trans_s_2651 AY389670|Hyacinthus orientalis HUELLENLOS-like protein mRNA, complete cds

TCCTCTTTTCTCCCTGGGCGGGTTTCGTAACCTAAGATTTTGGCGACCAAAGTTCAGAAATGGCTGCCGCTTTTG
CTTCAAAGTTTTCCCGCGTCAGCCGTTTATTGTTGGGTGGACTTGGAACAATTTGTCTACTTCATTGACCACAT

CAAATGAGACAATATGCAGCAGTTTCATCTCTCAGTTGCAGCAACAAAGAACTTTCATACAGATGAGGACTGT
GCTAAAAGTAGTGGACAATTCGGGGGCAAAAAAGTGATGTGCATACAATCGTTGAAGGGGAAGAAAGGAG
CAAGACTAGGAGACACAATCGTAGCATCAGTGAAAGAAGCCCATCCTAATGGAAAAGTGAAGAAAGGAAAA
GTTGTATATGGTGTAGTTGTGCGAGCTGCAATGCAAAAAGGCCGCTGTGATGGGAGTGAGGTCAAGTTTGAT
GATAATGCTGTAGTACTTGTAGACAAGCAAGGCCAGCCTATTGGGACGAGAGTGTTTGGTCCAGTTCCTCACG
AACTCAGGAAGAAAAAGCACGGGAAGATTCTTACTTTAGCAGAGCACATCGCTTGAAATCAATAATCAAGTCA
GAGCCAAGGATAGAAGGTTTTGTTTGTAACTTCTTAATTATGTTCCCAAAAGCACAACTTAACCGGAAGAA
AGCAAGTGAATCTGCTAAAACCATCTGATAAATTTGTCTTTGGGAAACGATAGGGAAGTTCTTGAGATAATT
CGTCTTCTATTTTGAATTTAAAAAACTAGTACGTGGCTGGTCAGTTTTCGAACACCGGTGCTTAAACGTGGTT
TGAAAGTGTTTCATAGAATGTCTTTGTCTATGCAAAATTTATGCAGAAGGCAAACATTTATACATTGTACAAT
TTTAACTC

>trans_s_2652 NM_101841|Arabidopsis thaliana zinc finger (CCCH-type) family protein
(AT1G19860) mRNA, complete cds

AAGAGAAACAAAGCCAAAGGGAAATGTTGAGGCTATTAGCTGGAAAAAGCCTGAACCAAAGGATCTAGGGT
TTTCTTCGCTTCGATCTCTCTGTCTTCTTTAACTTACATGCAAAATTGAAATCATCTTTCTGCAATTCCACCTTGCA
CAGTTCCTAGACACGTTTCGGTTTTGAAATGATAACACAACTTGTTTTAACTTTTGTCAAAAAACGATGCTGG
ATTTGAAGTTATAGTACTAGGGGTTTTCTTCTGATCGGAATCCCTTCCGACTCTTAATCGTGAAAGAACTTT
TGAAAACAAGTGAGAGCCGTAAAATATGCGGGGATTGCACAAAGGGAAAAGGGTTTCATGGGCGTCAGATC
TTAATCTTCGTCAGGTTAGGTTGTTTTCATCTGAGGATTGTCCTTCCCAAGTGGGATTGGGTGCTCAAGATCAC
CTTCAAGCAAAGGCATCGTGGCTCTTGCACTCAACTGGTTCGGGTTTGGGTTCTGATGACACTTTGCCTCTCGG
ATTTGAAGTAGCTCATCCAGAGAATCAGTTGCAGATAAAGCTCTCACAAATTCCTGTAAATCAATGGAGATGT
CCACCTAAGAAAGCCAAGAGGTAGATGTTGAAAATCAGAGAGAGATGAGAGTACTTGAAGCGGTTTATCCTC
GGGCATCTGCAATTCCTCTAAGTTGATTACTTCTTTGCACTTTGTAATTCTGTTTTGGCATTGGCTTTTTTGT
ATTCATCATACTGAAAAACCATTTGGTTTGCATCCGTACAGCCCTTCTGTGGTACCTGATTCAGAACGTGCCAG
TATTGATGACAGTCGGACACCTCTGATTCCCATTACTCCTGTTGAAAATGAAAGATGGAGCAACGGAGTCTTC

>trans_s_2653 NM_179581|Arabidopsis thaliana phosphoribulokinase/uridine kinase-related
(AT1G80380) mRNA, complete cds

AAATTCTCAATTCACATCCGCACAGCAAAGCTCACATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
CCCCACCTCCCCACTCTGGCTCGTAAAAGTCGACCAAAAACCATAACCACCAAGACTTGGAGATGATAATTG
ATGACCAAACTCTCACAGTGAGCTTTAGATAAGAATGGCAACTCAGCCGCTATCTTCGACTTCAACTCTTCCTT
CTCTTTTCTGTAGCAACAGTAATGGAGTCGGTTTTTATAAATTCCGTTCTTCCCTTTATTTCCCATCACGTCTCCGT
TTCTTCTTCTTATTGCCGATGGCTAAAACCAATCAATCCATTTCTAGACTATGTTATTTGCAAACCCATTTGCC
AAATCAGGCAATGGATGCTCGTGGATTCAAGATAACTCCTTGTCACAGTGTTTCTGCCTCCGTCGAGGGCT
ATCGAGGTTCCGTATGTTATTCATTACCCACAAAGCCAGCACAAGTTTCCACTGTGGCGGATCTTTTTGAATTC
ATTTGCTCTGGTCCCTTGATAGAAAAGCTGGGTTTGAGCCCCGAAAGTGTGGCTGATGCCATAGATAAATGGC
TAGCTTATGACTCTTACCTTTGTGATTGTTCAAAGCTAACGAAATGGAGCTCACAATTCCTCAGAAAGCAAGG
TTTTATCATTACTATATACCCGTCTTTTTTGGTGCGAAGATCAGATTTACAACACCAATCCTCATTTAAAGAA
GGAGAAGAAATACCTCCCTTAGTGATAGGATTTAGTGCTCCGCAAGGGTGTGGAAAGACGACACTCGTGAT
GCTCTCAATTATCTTTTTGAAGTAACAGGCAGGAAGTCTGCTATGTTATCCATTGATGACTTCTATC

>trans_s_2654 AJ277533|Asparagus officinalis mRNA for S6 ribosomal protein (rps6 gene)

AAAAGCTTAAGGCGTCGTTCTGCTCTCCACTTTGCTCGTCTCTTTTCTGCGGCCGCCTGCTTCAATCTCATCGTTC
GAAGATGAAGTTTAATATCGCGAATCCGACTACTGGATGCCAGAAGAAGCTGGAAATAGACGATGACCAGAA
ACTCCGTGCTTTCTTTGACAAGAGGATCTCCAGGAAGTCAGTGGAGATTCCCTCGGGGAGGAATTTAAGGG
ATATGTTTTCAAGATTATGGGAGGTTGTGACAAGCAAGGATCCCAATGACCAAGGGTGTCTTGACCCCTGGC
CGTGTCGCTCTTGCTTCACAGAGGTACCCCATGTTCCGTGGGTATGGAAGACGCAATGGAGAACGCAGG
AGGAAGTCTGTGCGTGGTTGCATCGTCAGCCAAGATCTTTCTGTTCTGAATTTGGTGATTGTGAAGAAGGGAG
ACAATGATCTTCCTGGCTTGACAGACACCGAGAAACCAAGGATGAGGGGTCCCAAGAGGGGCATCCAAGATTC
GCAAACTTTTCAATCTCTCAAAGGAGGATGATGTTAGAAAATATGTTAACACATACCGTAGATCATTACCACA
AAATCTGGTAAAAAGGTTAGCAAAGCTCCCAAGATTCAGAGGCTGGTTACCCCACTTACCTTGCAGAGGAAGC
GAGGAAGAATTGCAGAAAAAGAAAAGAGAATTGCCAAGGCCAAATCCGAGGCTGCTGAGTATCAGAAGCTT
CTGGCCTCGAGATTGAAGGAGCAAAGAGAACGTGCGAGTGAGAGTTTGGCCAAGAAGAGGTCCAGGCTCTC
GGCTGCCTCAAAGCATCCGTTGCCGCTTAGTTTGTCCATTATTATTTATGTCTCAGCCGTTCTGTTATCTTTAT
ATTTTCCATT

>trans_s_2655 XM_002881863|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata immunophilin, mRNA

CCGTTTCCCAACGGTACCAACACCTTGATCTCAAACCTCCATGGCGTCTTCACCCTCCTCAACGTTGCTCCCGCT
CGGTTCAAGCTTCTGGAATACACCAAGGAATTTCCAGTGATAAAATACGATCTCTTGTCGTGCGCTGCATGAAT
GCCAATATCAGTGCGAAAGAATGGAGGATGAAAGAGTACGCTAAGGAATTCAATTTGACTGGAAGAAGAGA
GATGATTGGTTTAATTTGTGGAATGTCAAGTCTCGTTATAGATGCTCTAGATGCCAAGGCAGCTGGTTTGCCTC
CAGAGGACAAGCCAAGATTATGTGACGATGCCTGCGAGAAAGAACTTGAAAATGTTCTATGGTCACGACTG
AGTCTGGTTTGCAGTACAAGGACATCAAAGTTGGTGGGGTCCCAGTCCTCCTATTGGATTTCAGGTAGCTGC
AAATTATGTTGCAATGGTTCCATCTGGACAAATCTTTGACAGTTCACTTGAGAAGAATCAGCTTTATATCTTTTCG
AGTTGGATCTGGTCAAGTAATCAAAGGTCTTGATGAAGGGATTTAAGCATGAAAGTCGGAGGAAAGCGTCG
ACTTTACATTCGCGACCTTTGGCATTCCCAAAAGGGCTCACATCAGCTCCAGGAAGGCCAAGGGTGGCTCCA
AATAGCCCTGTGGTATTTGATGTCAGTCTTGAATACATACCTGGCCTTGAAGATGAGGAGTGAGTAGCTATAC
AATAATCTCTTTAACTCTTCATTCTTTCTTTGGTTTTGCACAGAAAACCAAAGGAAAAGCAAACCTAGAAAAT
TTGTATATGATGAGGAAACACTCGCTGCTATGCTTCAATTTCCCTGCCTTGTGTGAGTAGAATTTGGGTGG
GGGA

>trans_s_2656 AJ555410|Arabidopsis thaliana partial mRNA for SOL1 protein, splice variant A3B1

GAAATATCGGAAGAGCCATTAGCCTCCAAATTTGTGATCGCCGGAAGCTCAAAAAAGGGGGAAAATGAAGTT
TCTCCTTTTCTTCTACTTCTCTCTTTCTTCTCCAGCTTTATTTACCTTGCACTGGCTCGAGGTGCCTCCAACA
TCTCCATTTCCGAGTGGATTTGATAGTCATGCATATGGCGGTTCTGCTAGAGTTTTACTCGAGGACAATAAA
TCTGAAGGAAGCATCATGCAAGGTTATATGACCAATAAAGACCTTGAGGAGGCCATTAAAGCTTTTGGTAAAA
AATGTAGTCAAATTTCTAGGATATATAGTATTAGAGACAGCGTGCAAGGGTTTCCACTGGTAATCATTCCAAA
ATTGGGTAATGGAAATCTCTGACAAGCCAGGCCAAGAAGAAGCCAAACCTGCATTTAAGTACATAGGAAATG
TACATGGAGATGAACCTGTTGGCAGGGAGCTTCTTTGCAATTTGCTAACTGGATCTGTGATAATTACCTCAAG
GATCCGTTGGCTACATTGATTGTGGAGAATGTTTCATCTTCATATACTTCCATCCATGAATCCTGATGGGTTTTCT
CTTAGGAGACGCAATAATGCAAACAATGTTGATCTAAACAGAGATTTCCCGATCAGTTCTTTGTCATCAATGA
TGATGAATATGATAGACAACCTGAAACAAAAGCAATTATGAAGTGGATGAGAGAGATACATTTCACTGCCTCT
GCCAGTTTGCATGGGGGTGCACTTGTGCAAATTACCATGGGATGGCACTGCAGATAAAAGGAAAGATTAC
TATGCATGTCCTGATGATGAAACATTCCGATTCATGGCTAGTATCTATAGTCGCTCACATCATAACATGTCTTTT

>trans_s_2657 XM_002326107|Populus trichocarpa SAUR family protein (SAUR46), mRNA

AGAGAGGAGAGTGGTTTTGTAAACGCTCATTCCTCTCTCCACATAAATATCCATTCTCTTCTCCTTCTCTCTC
GGAATTTTCTCCTTCTGCTTTTTCCCCGTTCAATTCATCTTCTCCTTCCAATGCCTTTTCTTCTCACCTTTTACC
TAAATGCTCTTCTTCTCGCCGACACTGTGAATTCTGTGCTGGGGTTCTGTTGAATTGTGGTGAACGTTTAGAA
ATGGATGAAAATGGTGGGATCAAGATGGGAATCCGCCAGATTGTGAGGCTGAAAGAGACTCTCCAACACTG
GCAAGGGGTACAGTATGCCCCGAAATCCAAAGCAGCAGCCATGAAAATGGAAGCCAAAATCAAAATCAAAA
CCATGGGATCCTTTCACCGGCAATCAACAAAAGGCTGACGAATGTGTTGTGTTGTGATTCCGATGAGGAGACT
TGCCAGAGCCCTGAGCACCCACCCAATGTGCCGAAAGGGTACTTGGCTGTTTATGTTGGGCCCGAGCTTCGG
AGATTTATCATTTCCACCAGCTATCTTAGCCATTCGGTGTTCAGGTGTTGCTGGAAAAGGCAGAGGAGGAGT
TTGGATTGATCATAGCGGCGGGCTCACTTCCCTTGCGAAATCGAGACCTTCAAATACCTTCTCAAGTGCATG
GAGAGCCAGCAGAAGGATCCTCCTGATGACCACACCCAGCTGAGAGTTCTTTGACCATGGAAGAATAAAAA
TGTTGTGATCCACAGCAGGGGAGGGGGCTATATACAAAGACAAATTGATGTCATTGTGCCAGATTTAGAT
ATAATGTTGTCAAATTGATGATGTGTTGTGGTTTTGGTTTTAAGATTCAAAAACATTAGGGATGTGTTTAAT
TAG

>trans_s_2658 HM755991|Cucurbita maxima malate synthase mRNA, complete cds

TGAAGGGGGGTTACCGGGGTTTGATCCGGCGACTAAGTATATAAGAGATTCTGAGTGGACATGTGCCCTGT
CCCTCCGGCAGTTGCTGACCGGAGAGTGGAGATACCGGACCTGTGGAGCGGAAGATGATCATCAACGCACT
CAATTCTGGAGCTAAAGTTTTTCATGGCGGACTTTGAAGATGCACTGTCACCAAATTGGGAGAATCTGATGAGG
GGGCAAATTAATCTTAAGGATGCAGTGGATGGGACTATAAGTTTCCATGACAGAGCTAGAAACAGGGTTTAT
AAGCTGAATGATCAGACAGCAAAGCTCTTTGTCCGCCCTCGAGGTTGGCATTGCGCAGAGGCTCATATCTTCAT
TGACGGCGAGCCTGCAACCGGCTGTCTGTGGATTTTGGGCTCTATTTTTCCACAACCATGCTAATTTTCGAC
GCTCTCAAGGTCAAGGTTATGGCCCTTTCTTTACCTTCCCAAATGGAGCACTCCAGGGAAGCTAAAATATGG
AACAGTGTATTTGAGAGGGCAGAAAAGATGGCAGGGATAGAGAGGGGGCAGCATCAGGGCCACCGTACTAAT
TGAAACACTTCCAGCAGTGTTCAAATGAATGAAATACTTTATGAGCTGAGGGATCACTCAGTGGGATTGAAC
TGTGGTAGATGGGATTACATATTCAGCTATGTCAAGACCTTCCAGGCGCACCAGATCGTCTATTACCCGATCG
GGTCCTAGTCGGTATGACCCAACATTTTCATGAGGAGCTATTCTGATCTTCTCATCAGGACTTGTACAGGCGTG
GTGTGCATGCCATGGGAGGCATGGCTGCTCAAATTCCGATTAGAGACGATCCGAAGGCAAATGAGGTAGCAC
TTGAGCTAG

>trans_s_2659 FJ233094|Jatropha curcas lipase mRNA, complete cds

TTTTTTCCGTCAATCTCCGTTTTGCTAAGCTTCTCCGTTTGGTGCAGAAGATTTCCCTTTCCTTCTCCGGCAAG
AATTTATTGCACTCGCCAAGCTCCTTCGACACGCATGTCGCGGCACTCCTTTTTCTTAATTGAAGTCGGTGCC
GACGCCGGTAATTCAACGTTGCGATCATCGGCCGAACCGCCTAATCTCCGGCCTGCTTTTCTCCTTTTCCAATTT
TCTGGACTATGGAGCGGCATAGATGGTTGACAGTGGCGATTTTGTCTGCCTGATCGTTTTTCCGTCGGAAG
GGAGCTCAGATTGAACCACAAGCACAGCGATGATGCTATTTCTTTAACCATACTCTTGCCGAAATCTTGGTGG
AATATGCTTCTGCGGCATACATATCTGATTTAACGGAAGTGTACTTGGACATGCACAAGATGTGATGACCTG
ACTCAGGGGTTTGAAGTTATAGAACTGGTTGTTGATGTGCAGCACTGCCTACAGGGATACGTTGGAGTAGCA
AACAGTCTTAATGCTATCGTTATTGCTTTTAGAGGAACTCAAGAAAACAGCATACAAAACCTGGATTGAAGACC
TATACTGGAAGCAGCTTGACTTGATGTACCCTGGCATGCCGGATTCAATGGTGCACCATGGGTTTTATTATGCT
TATCACAACACAACAATACGCCCTGCGATTAATACTGCTGTTGATAGAGCCAGGAAGTTCTATGGTAACCTTG
ACATCATTGTGACTGGACATTCAATGGGAGGAGCAATGGCAGCATTTTGTGGCCTTGATCTTGACAGTTAACTA
CAATCCCAGAACGTCCAGGTTATGACATTTGGACAACCTCGTATTGGCAATGCAGTATTGTCATCTTACTA

>trans_s_2660 AY496128|Capsicum annuum 60S ribosomal protein L12 mRNA, complete cds

TCCGTCGCCTCTGAACTCAGAACTTCTATCCAAGTAATCGCGTTATTCAATTATGCCGCCCAAGCTCGATCCTTC
CCAGGTCGTCGAGGTTTTCTGCCGAGTCACCGGAGGTGAGGTCGGAGCTGCCAGTTCTCTCGCTCCCAAAATC
GGTCCTCTAGGTCTCTCCCTAAGAAGATCGGAGAAGACATTGCCAAGGAGACTGCCAAGGAATGGAAGGGT
CTCAGAGTTACCGTCAAGCTTACTGTGCAGAACCGTCAAGCCAAGGTCTCCGTGGTTCCCTCTGCTGCTGCTTT
GGTCATCAAGGCTCTCAAAGAGCCCGAACGCGACCGCAAGCCTCCCAAGAACATCAAGCACAATGGTAATAT
CTCGCTTGACGATGTTATTGAGATTGCTAGGGTTATGCGCCCCAGGTCTATGGCTAAGGATCTCAGTGGATCC
GTTAAGGAGATTCTCGGTACTTGCGTTTCTGTTGGGTGTACGGTCGATGGTAAGGACCCGAAGGATTTGCAGC
AGGAAATTACTGATGGGGATGTTGAAATTCCTCAGGATTGAGAGTGATTTTTTTTTTTTTGTTTTTCGATTTTG
AACTCTTACTTTGTAGTTTCAGTTTTGGAGTTTTAAAGATGTTTCTTTTTATTGTCTTGAAATGACTATATCTCCG
GATATAAGGATTTATTTAATGTGGAAAAGCTTGCTTCATTCGGAGATGGAAGCATTGTGGTTCGTTTTGAAC
TCAAGTTTTAGATTTTTTGTTTCGATTCATATCGTTGCATTCAGGTTGTATTATTGAGAATAGTCCTTTTATGAT
TATTCCTTACTTACATTACACTGAATGCAGGGCATACTTTTTCTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2661 NM_001059570|Oryza sativa Japonica Group Os04g0467100 (Os04g0467100)
mRNA, complete cds

TTCCGAGTCTTTAGATAAAATAGGTGTGCAGATATCTGGTGAAAAAGCAAATTTGGAAGACCCTTCTTCAGCTT
CCAAATCTGTTGATTCTTGCAACGACACTCCTGCTCTGGGCTCTGCAGCAGAACCACCCAGTCATAACATCGCA
GCGCATCCTTCAGGTTATAATGATGAATTTGAGAATGGAAGTATTGCACTTACTCTCAACTCGATCTCTCCAGT
GGCGAATGGTGGAGAAGAATCAGGAGTGTTGCGGAAGAAGTGATTCTGTAATTGGAAGTCAAGTTTCAAC
CAATCTGGAATATAGAACTTCAGATAGTAGACTACTTTCGAGTCAAAACATGAACGACATTGGCGAGTCTAGT
TTCTCTGCCGTAGATCCACTAGCTAGTCTTGTTACTTACTCAGGGCCAGTAGCCTATTCTGGAAGCATCTCGCTT
CGATCAGAAAGTAGCACAACAAGCACACGTTCTTTGCCTTCCCTATATTACAGACCGAATGGAATAGTAGCC
CGGTTAAAATGGTAAAAGCTGAACGGAGGCATTACCGAAAGTATCGAGGTTGGAGGGAGGGACTTCTATGCT
GCAAATTCGACTGCTTCCGTGCTATCTCTAGAGTTAGATTCTGTTTGTGCATCATCAAATTTATTTTCACACA
CATGTAAGTAGATGTATTATTTACTGGAGGTTATGCATTTATTTCATAGTCATTCTTTACAGTTTGGCCTATTAT
GTGAAATTTAATGTATTGGTAATACTTCATATCTTTCTTTCTCTGGAAAATTTCTCCAGTAGACCATATTTCTCC
ATTATGCTTGTAACCATGGCTCTTTGATTTATATAAGGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2662 BT014876|Arabidopsis thaliana At1g73885 gene, complete cds

GATCCGAAGCAAAAACAAAATCCTCTTCTCATTTTTCGGAGGGCTCAGAGCTCACTCTCCACCATTCAAATGCC
TCTGACCATAACCAATGGCGGTGCCACCGCCGGCACCCTGGGGGAATTCTCTACAGAACCTTCACAAGAACT
CCTCCTTCTAACTATTTCTTTTCCGCCGCAACGCACTCTTTCATCCCTCAAAAGAAGCCCGCACCTCCATGTCG
TTCAAGCCAAGAAATCCTCCTTCCGAACAGGGCGATTGACAGTAAGAACCGGAGGAGCTCGACGACGATCA
AGGAACAGGATAAAGAAGAAGAAGAAGAACGAAATCGGACGGCTGGGATTGAAATGGGCAGTCCCATCGTT
GAAAATGCCGGCGTAGTGTTTGATGTGGATGAGAATTTGCCGGAGTTGCCTGGGCTTCAGCCAGATTTCTGG
GAGGGTCCGCAGTGGGATGCCCTAGGCTTCTCCTAGAGTATTTGTGGGCTTTTGGAATCGTTTTCGCGCTTAT
TGCTTGTGGGATTGCTGTCACCACATATAATGAAGGAGCAACTGATTTCAAGGAGACACCTGCATATAAAGAA
TCAGTTCAAAGTAGAGAGATTTTAGAACAGAGGCATCAAACCCAGATGTGTTTGAATCCAATCCAAGTGGG
TGGCTCAAAGTTTGGAATGATGTTGATACTTAGATATCAAAAACAGATTACACATCTTGATACATTATCATCC
TCCAAGCAGTTAAAGAAGTGAAAAAGAAAACAAAGGATACTGTGTGAATTTGTAATGGCATATTTATCTAGG
TATGTTATGACAACTTTATTCTATTGTATCTAGTTAAGATTTTGATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_2663 NM_120476|Arabidopsis thaliana CPSRP54 (CHLOROPLAST SIGNAL RECOGNITION PARTICLE 54 KDA SUBUNIT); 7S RNA binding / GTP binding / mRNA binding / signal sequenc>
(CPSRP54) mRNA, complete cds

ACGACCTTGAACCATTTTATCCTGACCGTATGGCAGGAAGAATCTTAGGAATGGGAGATGTCCTCTCTTTTGTG
GAGAAGGCACAAGAAGTGATGCGCCAAGAGGATGCAGAAGAACTTCAAAAGAAGATATTAAGTGCGAAATT
TGACTTCAATGATTTCTGAAGCAAACCTCGTGCAGTTGCACGGATGGGATCTATGACTCGTGTCAATTGGAATG
ATCCCTGGTATGGGAAAGGTCACTCCATCCCAGGTTTCGAGAAGCAGAGAAGAGTTTGAATAATGGAATCA
ATGATTGAAGCAATGACTCCGGAGGAAAGAGAGAAGCCAGAATTGTTGGCAGAATCACCTGCAAGGAGGAA
AAGAGTTGCTCAGGATTCAGGGAAAACAGAGCAGCAGGTGAGCCAACCTCGTGGCTCAACTCTTCAAATGCG
TGTTCTGATGAAGAATCTGATGGGTGTGATGGAAGGTGGATCCATTCTGCATTGAACAATCTTGAAGAAGCT
CTTAAAGCTGAACAAAAGGCCCTCCTGGTACTGCACGAAGGAAGCGAAGATCTGAATCAAGGAAGCAATTT
GCGAACTCAGGAACAAGGCCAAGTCCTCGTGGTTTTGGGAGTGGAACTAAGCAAAAGTTTATAAAGAGATG
CATAACAAATTCAGGTTAATGCTCCTTTCTTGCATGTCTTTATTTACCACCTTGTCTGTAATTTTACCACAATA
TTCATTCACTAGGTAATGAACTGATTTCTTTAATGCATTGTATAATATTGTTAGATTGGTAGTTTAGACTTTAG
GATATGGGCTATCAACTTAATCATGGAAACCTGCTTATTTGGAATCTTTTCACTCCAGAAATAATATTTTAGA
AAAAGTCA

>trans_s_2664 XM_002873800|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1241, mRNA

AACCTTTCTGGCATCTACCACTTCCTTCTCTCTCTCTACCTTATCTCTCTCTCTTCTCTCTTCTCTTTGTAA
ATTCTCTATGGCGACCTCCTCAGAACTCCATTTTTTCAGGCAACCGCTCCGGCGAGTGTTCCGCCTTTTCCTT
ATCCAAATCCACCCTAAAACCTCTTCTTTATCCTTTACAACCTCTCACTCTTTCATTTGTTCTATCAATTCCTCCA
AGTTTTCAACTCGTCTCTCTCTCCGCTTCCCCAAGCGGCCTTTTGCTTCTCCGGTGAAACGGAAATTAGCG
AGCTTGAAGAGGAAGTTCGCGATTCTGAGGCTGAGGATTCTTCTGTTAGTTATACCGGTGTAGAAGATGCGAC
AAGTGATAATGACATAAGTGATGACTCAGAAGTTAATGCTGAGGATTCCACTCAGTCAGTCATTGTAGCAGCA
CTTCAGTCCTATAAGCAGGCGTTATCTGATAACAATGGAGCTCAAATAGTTGAAATAGAGTCTTTTCTGAAGTC
AATTGAAGATGAAAAGCTCGCAGTTGAAAGAAAGTTGAATTCCTTAATTGAAGAACTTTCTGTAGAGAAGGAT
CGAGTTTTGAGGATCAGTGCTGACTTTGATAATTTTCGGAAGAGAACAGAGCGAGAACGTCTTTCATTGGTAA
AAAATGCTCAAGGAGAAGTAGTAGAGACTTTATTAGGTGTCCTGGATAATTTTGAGAGAGCTAGGGCACAGA
TCAAGGTGGAGACAGAGGGGGAAGAGAAGATCAACCAGAGTTACCAGAGCATCTATAAGCAGTTCACCGAG
ATTTTGGGCTCCTTGGGTGTAGTTCCTGTTGAGACAGCCAAAGGGTTACCCAGTTTCTGGGACCATGAAA

>trans_s_2665 NM_123597|Arabidopsis thaliana metallocarboxypeptidase/ zinc ion binding
(AT5G42320) mRNA, complete cds

TTTCATTTTCTTCTCAAAAAGCTTCCAACAATGAAGCCACTCTTCAACTGAAAGTAACACCCACGATCTGTTT
TTCCCTGTTTTTCCCATATGGGTGCGCCTTTCTATTCTTTTTTCTTCCTTATGGATCACCTTCTTCTTCTTCA
CATCTTTCATGTGTCTTTTCGTTACTGCTGATGATCCCGATAGATTAACCTCAATCAACCACGATCTTATCATT
TAGTGTTGATTTGATGAAGGAGATAGAAGCTATGGTCCATCGACACCCAGATAAGCTGACTATAGAGACAAT
GAAGTCCAAAAATAAGGGCTATGCTGCAGAGATTCCAGTTGTTACATATCGCCGTGGAAGGAATAACATTGAT
GACACCTCAAAATCCGGATACTTCTTAGTTTTGGACAGCATGGAAGGGAGCTCATAACAACAGAAGTTGCAT
TAAGAATTCTCTTAATCTTGAGTGAAGAACATTTGTTGCCACATGGATCATGCTTCCTTAAAAACACACTT
GATAAGCTTGTCATTAAGGTGGTGCCAATGGAAAACCTAAATGGGCGAAGGCTTGTGAGGGTGGGGATTTA
TGTGAGAGAAGAATGGGAGAGGTGTTGATTTGAACAGGAATTGGAGTGTGCGATTGGGGTAAAAAGGAAAAG
GATTATGATCCTTATGAGGAAAATCCTGGATTGTCACCTTTCAGCGAACCCGAACTCAAATTATGCGAAAAAT

TGCCTTAAGATTTGATCCACATATATGGGTCAATGTGCACTCTGGAATGGAGGCTTTATTCATGCCTTATGACC
ACAAAAACACAACCTCTGACGGTGAAATTGCTCAACAAATGAACTTCTGCTTGAAGAGCTGAATCATCTCC

>trans_s_2666 XM_002881689|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat repeat-containing protein,
mRNA

TCCTCCATTTTTCCATCTTCCATACCGGATCCGACGACGGACGTCAGATTGATTGCTCCTTTCAATTTCTTCTTC
TTCCTATTTATCACCATCCTCTGCCTTTCCAACCTTTTCAGCAGTTTCGAAGCTCCGAGGAACAACTTTCCGA
GAAAGTCTTCGTGAAAATTCAATAACAGGGACAGAGACAAACAAAAGTGGTGGCAATCGCTTTTGGTTAATT
GATTTAAATAATCATTACTATCCTTTTTTCTTCTCTTAGTTAATGGTGAAATTATGGTTGTTGATTCTGTGCG
AGGAGGAGCAAGGGAGTTCGACATATCAATCAGGGTTTGTGTTTGGTTTGGATGAACATTGATTGTGGCAGT
TGAACCAGTGAATGCATTTGACCCATAATAGCTATTGAAATCTACCCACATAGCGGATTGCATCATCCAATCA
GGCAGGGCTCCCTCTTCTTTCTATTTGTTGAAGGAGGAGGAGGAAGGATAAAGAATCGAAGATGTTTAAGTTC
TTAAAGGGAGTGGTGGGTGGATCTGGGACTGGGCTCAAAGATCTGCCCTACAACATCGGCGATCCATACCCA
TCTGCCTGGGGTTCATGGACTCACTTCGGGGTACCTCTAAGGATGATGGGTCTCCAGTCTCCGATTTTCTCT
TTCAGGGAGTAATGCTCAGGATGGACACTTGGCTGCAGGTCGTAATGGTGTGAAACGGCTGCGAACTGTTAG
GCATCCAAATATTTTATCCTTCTTCATAGTAATGAGGCAGAACTATTGATGGGTCTGCTTCCAAGGGTACTA
TTTATATTGTTACAGAGCCTGTTATGCCATTATCTGAAAAGATCAAGGGATTGGGTCTAGAAAGTACCCAAAG
G

>trans_s_2667 NM_001057728|Oryza sativa Japonica Group Os03g0736400 (Os03g0736400)
mRNA, complete cds

AAGGTCTGTTAATGGCGGTTTCTTCGTTCCCGGTTCTTTCATCATTGAGCGCCAGCGCTAACATCTCGGATGTT
AGCTCGTTTTCGCTGAGTAGTCCACTCATCAATATCTGTTCTAAATCGAGCTCTCATCCTTCGTCTTCTATCATCG
TTTGTTCTTACAAATCTGGCAACCATACGGTGGCGGAGCGGAAGAAAAAGTTGTTGGAGCAATATGGACTTG
ATCCTAACGAGTTTTTGTCTGAACCTTCCACTAATCGAAGAAGAGAAATACGAAAAACGGGAAAAGGCAAGC
AAATTTCACTCGAGGATCCTAAACCTCAACGGCAGACTCATAAGTTACTTCAGGTGCTTGGAGGAAGTGCTCG
GAGAATGAAGCTACTCTACCAAAGGGGTTGGATGTACGACCAATGATGGAAGTTGTGAAAGGTGCAGCTTT
TGATATTTTGCAGGCTGCTGGCGGATGTCCAGCATCTTTAAGGCCTGGTCGTTGGTTAGACTTGATAGTGGT
ACCGGATCAGTTGGTATTGAAGCTATGAGCCGTGGATGCTCCGAGGTGCATTTTGTGAGATGGATCCATGG
GTTGTTTCTGATGTTCTAAGGCCAAATCTGGAATCTACTGGGTTTGATGATGTCTCGGTCAATCACACGATCCG
GGTTGAGAATTTTATAGAACGAGCTGACCAACTTATTGTGTTACCCACCGTACACACAAGTTGATTATGGGG
TACTCATGGGGCAACTATCAAAGTCAGCCTTAGTTGGAGAAGATACCTTCATTGTGGTTGAATATCCATTGAA
GACTGACATGCTGGATTCTGTGGATGCCTTACTAAGATACTGACCGGAGGTTTGGTCGGACGCACTTGGCAA
TTTATGG

>trans_s_2668 XM_002308766|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS52),
mRNA

AAGTTCGATATGATAGTGTTGGATCTAATTTGTGGTTTCAATTCTGGACCCAGCTGACTTGTATTGTTTGGTTC
AACAATTTTAATTCTGTAGTATTGATTTTTCTTCTGTTCTCTGCAGATTTTGGGGATTCTTCGATTCCAGTTTTTA
CCAGTAAAGAAGGCAACTGCTTTAACTACTGCGGAGCATATTAAGAATTTTGAGTCCTAAAATGTCTGCCTAG
GAGTTCTTACTAGACTCCACTGAACCCAAGTACTGAAACGCTTCTGATACCAACTGCTAGCGGTGAATATATTC
TTGCTTTGGGCTCATTTCTGATTTCTTAATGCAAGCATCTCACAACCGGCAGGCTTCATCTATGATCCATGAGAT
GGATCCATACTATTTATCTCGTTTTACGTATTGGGAAACCAAGTCTCTTCTGACGCAAGCAGCCAGGGAAACA
GTGTTAACTTCTCTTCTATAAGGATCAGTTCTTTACTCTGGAGTCATTCCCGGCTACTGCTGATTTGAGTGGCT

CTAATTCTCCTTCAGCTGGGAGTGTCTGTCGTCTAGGAGCCCCTTCTCACCTCAGGGTTCTCAATCATGCTCAT
CGGACCAACACCATTCTTTGAGAACACATGTGGATCACCATTGAGTGGATGCTCTGTAAGTATGATGATGACAA
CGACATAAAGCACAAGCTGAAAGAATTAGAAATTTCTTTGCTGGGGCCTGAATCTGATATGGTGGATAGCTGC
TACTGTTCTTTCANGGGTGGGGCGCATCAAGATGCTTCAGTGGCAAGGAGGAACTGGAATCAAGTGGTTGAA
ATGATTCTAACTAAATCTTCAGGACACGCTTATCCATTGTGCCCCAAGCGATTATGATTCTGATCTC

>trans_s_2669 AB513348|Nicotiana tabacum GMD mRNA for GDP-mannose 4,6-dehydratase,
complete cds

TTTTCTTTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCATTCTCCCAGATCCGATTCATTCATCAATGGCTTCCATAGCCG
ACGGTACCAGATCTACCTCCGATACCAATGGCAAGGCCGCTGAACCGGCGGAGAAGCGACGGACGGCCCTTAA
TTACTGGCATTACTGGTCAGGATGGTTCCTACCTTACCGAGTTCCTTCTCGATAAGGGCTATGAAGTTCATGGA
TTGATCCGGAGATCTTCCAATTCAATACTCAACGAATCAACCACATCTATATCGATCCTCACAATGCTAATAA
GGCACGAATGAAGCTTCACTACGCTGACCTTACTGACGCCTCCTCTCTCCGTCGATGGCTTGATATTATTCTTCC
TGATGAGGTTTATAACCTCGCAGCTCAATCTCATGTTGCTGTTTCTTTGAAATTCCTGATTATACTGCTGATGT
TGTTGCCACTGGTGCTCTCCGTTTGCTTGAGGCTGTTCGATCTCATATTGCTGCTACTGGTCGTAGCCACATTG
ATATTACCAAGCGGGATCGTCTGAAATGTTTGGGTCTACGCCGCTCCTCAGTCGGAGACGACTCCATTTTCATC
CTCGATCTCCTTATGCTGCAGCGAAATGCGCTGCGCATTGGTATACTGTTAATTACCGTGAGGCCCTACGGGATT
TTCGCTTGTAATGGGATACTATTCAACCATGAATCGCCACGCAGGGGAGAGAATTTCTGACGAGGAAGATC
ACACGAGCTGTAGGTCGGATCAAGATTGGACTGCAGAGCAAGCTGTTCTTGGGGAATCCGCAGGCGTCGAG
GGATTGGGGTTTTGCAGGGGATTATGTGGAAGCGATGTGGATGATGCTGCAGCAAGATCAACCTGATGAT

>trans_s_2670 AY106431|Zea mays PCO116332 mRNA sequence

CTGAAGGAGGCGATCGTGGCCTACACAGGCCTCTCTCCTTCCACCTTCTTCACTGTGTTGGCTCTTGGATTG
CATTTACTATCTCATTTCCAGTTTCTTCGCTCCCTCCGCCGATTACGGAACCCACGCTAGGGACTTGGAGCAAAT
CCATCCTCTCCCTCCACCTGTTCAACTTGGTGAAATTTCTGAGGATGACTTGAAACAATACGATGGCACCGATT
CCAAGAAACCCCTTCTCATGGCTATCAAGGGCCAGATCTACGATGTTTCTCAGAGCAGGATGTTCTATGGACC
CGGGGGGGCCCTATGCCCTTTTTGGACCTTAGGATGCCAGCAGAGCTCTTGCAAAAATGTCATTTGAAGAGAAA
GATCTGACTGGGGATACCTCTGGTCTCGGTCCATCCGAACTTGAAATGTTGCAGGATTGGGAATACAAATTCA
TGAGTAAATATGTTAAAGTCGGGACAGTCAAGAAGACAGTCGCTGAAGGTGATGCTGCAGCTGGTGAGCCTG
CAGAGTCAAGCTCTGCTGAAGTTAGCAAGCCTGTGCAAGAAAGTCACTCGGAACCTCGGGATGATAAAGCTG
AGGAAGCCCCTGCTGCTGCAAATGTCGATTAATATTCTTCGGACTGCAAATGCCCTTCTGGCGGATATAGGA
AATGAGAACAAACGTACGTGTGCTCATGTTTTAGTAATCTTGTTTCATAGATAAGTGAAATCTAGTTGTGTAGGG
TGATGATACTACAGTGGAATTGAGGCTTGAGTTTATGTTTACTATTGTTCAATAAACGTGCGACAATAAGATTG
TAGTCTTTGAATTTGAAAATGGGACTGAGGCTCTCTTTTCCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_2671 NM_001055722|Oryza sativa Japonica Group Os03g0184100 (Os03g0184100)
mRNA, complete cds

AATATCTCTCCCACTGGCCCCGCTTCCATCTTTCTTCCCTTCATCTCTCTGTGCGCCATTGCAAATCTGGAGATAATC
CTTCTTCTCTTCCCCATTTCATGGAGTTGTTGCCTCGAAATTTGGACAATCTCAACTCCAGAGAAGCTCGTTCGG
ACTCCCTCGTTTCTGAATTCGTCAAGGATGGGTCTACCGAGTTTGGCGCCGATTGAGTCTTCTAGCCGGGGT
ACTCATATGACGGATTCTGTACCTTCTGATTGGACCGACGAGAAGCACCATTTGTTTCTTGAATCCATGGAAGC
ATCATTTGTCAGCCAAATGTTTGATTCTGGGCATTCCGTTGGTTCCTGCCCCAGCAAGGATAATTCTTCGCGGA
CAAAATTGCTCAGCAAAAGCCAGTCCGCCTCTCACGTCCATTACATTTTGGCCAGTTTAAGGTTCTTCGACGA

GGCAGCTGGAAGAACATTAATTTTGAACCAACTGAATCTCGATCAAATTTTTTTGAATGAATACCAAGCTCTCTC
ACATAATCCTTGGATACATCACTTCAAAGCTGCTCTTAAAAACAAAAATGTCGCTTGCAAAAGTCAAGCTATCG
GTTCAAGAGGAAGGAAGTCTGTTGTCATTAGAAGCAGCTAATAATTCAGGACCTATACGTGCTTCCAACCTCTGA
TTTGTCCCAGCAATATATCAGCAGTAATAAAGAAGTTTCGGATCAGAACTTTGTTGATGAAGTTGTAGAAGTT
GAAAAAGGAAGCAGGGATTGCAATGCCAAAAGGGTCAACACATCAGAAACCAATGCTTTGATCAATGACCAG
CCAGAAGATAGCTAGATCCCAGATTGTCGCCAAGATGTGCCAAAACTTATCGACTACTTTTCTAACTCG

>trans_s_2672 Y17226|Lycopersicon esculentum mRNA for cyclin-dependent protein kinase
(cdc2A-2)

TTCTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTGCGGCGCCATTTTACTGCGCCTCTCTACGCTCCGACACCGTCCCCGATTCC
CCACGGGTTTCGGCTTTGATTCAACCAGGATTTAAGCTTTGAGAACTTTGGTACTTTTCTTGTACTCGATGGAAC
AGTATGAGAAAGTTGAGAAGATTGGAGAAGGAAGTATGGTGTAGTTTACAAGGCACGCGATCGCGTCACCA
ACGAGACTATTGCTTTGAAGAAGATCCGGTTGGAGCAAGAAGATGAGGGAGTGCCAAGCACAGCCATCCGT
GAAATTTCACTGTTGAAGGAAATGCAGCATGGCAACATTGTGAGGTTACAAGATGTAGTGCATAGCGAGAAG
CGCCTGTATCTTGTTTTTGAGTACCTGGATTTGGATTTGAAGAAGCATATGGATTCTCTCTGAATTTTCAAAG
GATCCACGCCAAGTAAAAATGTTTCTTATCAAATCTTCGTGGCATTGCATATTGTCATTCTCATAGAGTTCTT
CACCGAGATCTAAACCCCAAAATCTGCTGATTGATCGTCGTACCAATGCTCTGAAGCTTGCTGACTTTGGACT
GGCAAGAGCATTGTTGTTTCTGTTAGAACATTACGCATGAGGTGGTGACCTTTGGTACAGAGCACCAGAA
ATATTGCTTGGTTCCCGACATTATTCCACCCCGTGGATGTGTGGTCAGTGGGTTGCATATTTGCTGAGATGGT
TAATCAGCGGCCGTTGTTCCCTGGAGACTCTGAGATTGATGAACTGTTTAAGATATTAGAGTTCTGGGAAGT
CCAAATGAAGATACGTGGCCTGGTGTTACATCTTGCCTGATTTAAATCTGCTTCCCCCAGTGGCCTCCCAA

>trans_s_2673 DQ864657|Capsicum annuum nuclear-localized RNA binding protein (RBP1) mRNA,
complete cds

AGAATTTAGGTCAGTCGACTTCTTTTGTCTTACTCACATCAGTCACTCCCATTGCGGCTAGGGTTTTTCCCTTTT
GTTCTCTTCCATTTTATATTTTTTCTTTTAAATTTATTTCTACAAATCTCTTCATTCTTTCTTTTATCATATTTTC
ATGGAGCTCTTGTTAGATAGTTTTGTGATCTCTTTTTTGTAGCTCTTTTTTGGGTTTTTGGTTTCGAGATT
GTTTCAAATCGCGACCCCTAATCCTTTTGATTTGTTGGGGGATGATGATGCTGAGGACCCATCTCAGCTAATT
GCGGCTAAGGTGGCGGCGGTGGCGACGGCCCCGCTGTCTAAGAAAGGCCCTGCTCAGACCAAACCCCTGCCT
TCTGGGGCTCAACAGAATAAGCCTGCTAGTCTTCTTCAAACCTCTGCCACCTGCTCAGGCTGTAAGAGAATC
AAGGAATGAAGGCAGTCGTGGAGGTCGTGGCAGTGGACGAGGTGGAGGACGAGGATATGGTTATGGGCGA
GGTCGCGAGGGTGGTGGGTTAATCGAGACTCTGCCAACAGTGAGAACATTAATGCACCTGAAGATGGAGTG
GGTGGTAAGACAACCTGAAAGACGTGGATATGGTGGGCCTCGTGGTCGTGGTGGCCGTCGGGGTGGTTTCAA
TGATGGAGAAAATGCTGAAGGGGAACGCCCTCGTAGAGCATTGAACGCCACAGTGGAAGTGGCCGTGGAA
ATGAATTTAAACGAGAAGGGTCTGGTCGTGGAAATTGGGGAAGGTCAACTGACGAATTTGCTGAGGTAGCA
GAGGAAACCGTTAATGAAACTGAAAAGAATGTGGGTGACGAGAAGCCTATTCAAGAGAATGATACAGAAGG
GGCGAA

>trans_s_2674 NM_105232|Arabidopsis thaliana FRA3 (FRAGILE FIBER3); inositol or
phosphatidylinositol phosphatase (FRA3) mRNA, complete cds

ATCACAGTGATGATGGTGCTAAGGGGGCGTCAACCTAGTTGAGATGCTCAGGTATGAGGCTTGATGGATGT
GGTGGATAGCGATCATAAGCCTGTTTCGTTGTATATTTGATGTCAATATTGCTCGAGTTGACGAGTCTATAAGA
AGACAAGAGCTTGAGAAAATCTTCATTCAAACGAAAAAAGTAACATATGCTTGATGTGCTTTGCAAGATTC
CTGAAGTTATTGTCAGTACGAACAACATACTTCTTCAACATGAGGATACATCTCTTCTACGTATTACAAATAAAT

GCGAGAAAAGTGACGCAACATTTAAAATACTTTGCGAAGGTCAGTCTACGATTCGAGTGAATGGCAAAGCAT
CAGGTCATTATAGTCTTAGAGGTTCTTTTGGCTTTCCACGATGGCTTGAGGTCTCGCCTGCGACTGCAATTATC
AAACCTAACCAAATTGTTGAGGTCTCAGTTTGTTTTGAGGAATCCCACATGTCAGAAGGATTTGATGATGGCC
ATCCACAAAACCTCATGGTGTGAAGTCACCAGAGATAAAAAGGTTATTTTGCTTGTTAAGGTGTACGGAAACCTT
TTTCTAGTAAGTCAAAGAATCATCGTATTCGTGTGCGCCATTGTGTTTCTCCTAAGACAGAAGGAACTGGTACC
AAAACGAACAACCTCTACCCAAATTCATGGAAGCGTTCTTCAACGATCCGATATTCAGTGTCTCAGCATGTCCAG
CGATGTGGTTGACCATCTAAGAAATTTGCATACCCCTTGACTGCAGCCAAGATTGTGTGGGAAATCATGCTTTT
GGTCTTTAACAGATCCCNATTCTTCCAGCTTCTTTTATGTACATACCTGAGGCCATTTTGTATCAAAACTCGTAC
T

>trans_s_2675 BT025497|Arabidopsis thaliana At1g29060 mRNA, complete cds

AATTCGTGTTTATATTTTTCAAAACAAATACAACACTAAACGCCTCGCCAACGCGGCTTTGATCGGAAAATTC
CCAATTTGCTTCGATCTCTTACCTTCTTGTTGGACCCCAGGATTCTGAATTTGGTTGTACCGATTCTGTTGTTCC
TACTCCATTCATCACTCTTCGGATTAGGTTTTACGGCGTCCAGTTCGTTTCGTGGCGGTAGTTCCTTCTACAAT
GGCGACGCCGCCCTTTTCGCTCCAGGGAGGGGCTTAGCACAAGACCGGCGGCTGCTCCGATGAAATTCAA
CTGCAGATCGATCCGATGCAAGGGGACTTGAGACGACGAGATCGTTGGTCTCCACAGCCAAGTTAAAGGCTT
AGAAACATTGCTCAAGACATTGGGACAGAAGCAAAGTCTCAGCAAGATTTCTAGATCAGTTGCAAATGACAT
TGATAAAAGCTCAAGCAGGGGTGAAGAACAACGTAAGAAGATTGAACAAAAAGATCATAACAGAAATGGATCA
AATCATGTCTCAGGTCGTCGTGTTGCGTTGATCTGTTCTTTATAGTATACATGTGGGCGAAAATGTCCAG
AAAATGAATGTTTTTCTCATTTTGTCTACTATGAATGGAAATACAAGTTTGCTGGTCGGCGACGAGGGAAAA
GAAACAGGAAATGATGTTTAAATATTTATCACTGTCACATCTCAGGTTATAGCATTGGACAGTGATAAAGTA
GGCTTTTGTTTTCTCTTGTAACAACTTTTGAATATACTTTTTATACGTTGTAAAGATTCATATTGTGGATCATAA
CTATGTAGTATTAATTAATTCATGCCTAAAGTTTTATTACGTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2676 HM122703|Malus x domestica TLP domain class transcription factor (TLP2) mRNA,
complete cds

GGGAGAGAGAGAAAGCGCAAAAAGTTGGGGCTTTGCTCTGCTTTGGGTTCCCTTCCAAGCTAAAGAAAATAG
AAAAAATGATGGATTTCTGGTCATTCTTCAAACGCCTTTTTGTTTGTACTCTCTCCTCAAAGATACATTAAACACG
GAGAGGGGCTTTTGTAACACTGGTTAAATGTCATTCCGTAGCATACTTCGTGATGTGAGGGATGGATTTGGAAG
CTTATCAAGACGTAGTTTTGAGGTGAGGCTGTCTGGAAATTCAGGGGTAAATCTCATGGACCAGTTTATGAG
TTTAATGATGAGCCTCTGCTAATTCAGACTAGCCGTTGGGCTAGCCTTCCACCCGAATTATTATGTGATGTGGT
TCGAAGACTGGAGGCAAGTGAGAATACTTGGCCTTCTCGGAGAAATGTCGTTGCTTGCTGTATGTAG
GTCATGGAGGGACATGTGCAAAGAAATGGTCAAATGCCCTGAATTATCTGGGAAGATTACCTTCCCAATCGCC
TTGAAGCAGCCTGGGCCTCGCGATGGCACTATTCAATGCTTTATCAAGAGGAACAAATCTAATTTAACTTATCA
TCTTTATCTTGCCTTAGTCCTGCTTTACTTGTTGAAAATGGGAAATTTCTTCTTCTGCAAAAAGAACCAGGAG
AACTACTTCTACAGAGTATGTTATATCATTGGCTGCAGACGATATATCAAGATCGAGCAACGGATATATTGGA
AAGCTAAGATCAAATTTTCTGGGAACCAAGTTCATTATATATGATACACAGCCTCCTTACAACAGCAACCAAAT
TCCAACCTCGGGCGAAGCCGAAGATTCTACTCAAAAAAGGTCTCACCAAAGGTCCCAGCTGGAAGCTACAG
CA

>trans_s_2677 AB255025|Oryza sativa Japonica Group NYC1 mRNA for short-chain
dehydrogenase/reductase NYC1, complete cds

AGGTTCAAGTACTCCTTTGACGGCTGTGTATGGATCGACAAAATGTGGTCTTAGGCAGCTTCAATCGTCTCTTT
TGAAAGAGTGCAGGCGGTCCAATGTAGGAGTACACACCGCATCTCCCGGCATGGTTTTGACAGATCTCCTTCT

TAGTGGTTCAACTGTGAGAAACAAACAGATGTTCAACATAATTTGTGAGCTTCCTGAAACAGTTGCTAGAACA
TTAGTTCCCCGTATGCGGGTTGTGAAAGGAACAGGAAAGGCCATCAACTACTTGACTCCTCCAAGAATCTTAT
TAGCTCTGGTCACTGCCTGGCTGCGACGAGGTGCTTGGTTTGATGATCAGGGGAGGGCTTTGTACGCAGCTG
AGGCAGACAGAATCCGAAACTGGGCCGAAAACCGCACACGTTTCTCCTTCACCGATGCAATGGAGATGTACA
CAGAGAATACCTGGGTGTCTGTCTTCTCCCTTTCGGTCGTTTGCGCCTTCATAATTCTCTCAACCACAAACAACA
CTCTTCCCGAACTTGACTCTTGTCAACTTCAGCAAAGACGACATCATTCACTTTACCGAATCAGAAGCAGCAT
TGTTAGGTACTGATAGGGAAGAAAAGAAAGGAGAAAAGTGACATTGTTAGTTCATCTAGCATCCTTGACACACA
AAGAAAAACCAACCCCACTACCATTAGCTAATGTATTGACTGCCTAACCAACAAAGCAAAGCCTTGAAGTGGG
TGGCCTCTCTCGAGGCCTATTTATTTATTTACTTCAATGGATGGACTGATCTGTATTGAAATGTAATGTGTAAA
ATCTACACAGCCAAGTAAAGTTTGTGCCTTCCTTTTTTTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_2678 HM122427|Malus x domestica ABI3L domain class transcription factor (ABI3L3)
mRNA, complete cds

ACTACAACAAAACACCCAAGGCATCGTCTGGTTGCTCGTGCATTGTGTGCATCCAACCTCCCAGTGGCAAGG
GAAAGCACAAACCTACTTGATGTGCAATGTGTGTATGACAGTTAAACGTAGATTTAAACTCTAATGATGCG
CAAGAAGAAACGGCAATCTGAGCGTGAAGCTGAAATCGCCAGAAGAATCAGCTTAAGTGGAGCTCTAGAG
AGGAATCTGAGTTGGACGACACCTCTCGGCATGCATCTTAACTCGATCCTTCTGCAAATGAAGCCCAATTG
ATGACAAATGAACCTAGAAGCCAAAGTAATTTGGTTGAACTTGTAAAGACCAATTAGATTTAAATTGCCAAC
CTGACCAAGAAAATGAAGTAGATGGGGTGAACCGAGTGAGCATGATGAGTCTAGTTCAAATCGCAAGCCTAC
CACTGGAGACATATTTGAAGCAGAATGGTCTTACAAGTTTGTTACCAGACCTACAGGTAAGTTCAGCATCACA
TGCGCCAGCGCAAGGTACAAATGAGATGGAAGGAGCTGTAAATGACGATGGGTGTTTTGCTTCTGCTGCTCA
AGATCAGGAAAGTGAGGGAAAACAAATATGCGGAAAAGATCAAAGCTGAAGTTCAATCCCGAAAGTTGAAT
CCGTCTCTTGTGTTGTGATTATTAAGTACTAACATCTAAAATATAGGTTAGTTATTTAATTTCAAGTGAAATAGAT
AATTGAATTTAAGTCTGCCTTTTCTCCTTGCCAAATGTATATAACTCACCTTTGGTTAACAGTTGGAGTTTTTCCC
GTTAAATAATGCTGGAAAATTCTTGATACAATTGACACACAACGTCCGTTCTTTGGATTAGAATAGAACAAAT
ATTCTT

>trans_s_2679 NM_001073083|Oryza sativa Japonica Group Os12g0271600 (Os12g0271600)
mRNA, complete cds

CAAAAGCTGCTGAAGCTAGGGCCCTTGATCAGATTAAAGTACTATCTGAGAGAACCAATGCTGCACGAGCTTC
GACATCTGAGTCGGGGGCTAACATTACTATCTCAAGGGAAGAGTTTGAGTCCTTAAGCCGTAAAGTTGAGGA
GTCTGACACATTAGCAGAAATGAAAGTAGCTGCTGCATTAGCTCAAGTTGAAGCTGTGAAGGCTGGTGAAAA
TGAAATTCTAAAAAAGCTAGAAGCATCCAGAGGGAAATTGAGGATATGAAGACTGCAACTGAGGAAGCTTC
AAAGAAAGCCAAAATGGCAGAAGCAGCTAAGAAAGCCTTGGAAGGAGAACTAAGAAGATGGCGTGAGCGA
GAGCAGAAAAAAGCGGTGGAAGCAGCATCAAGAATTTTGGCTGAAACAGAGGTGTCTTTGGAATCATCTCCA
AGCCACAATAGGATTCAAAAGCAGAGCACAACCTGTGAAAAGAGTTGAGTCCAAAAAATTGGAGAAAGATAA
AACCTTCTCAAAGAAGGTACTTTTACCAAACCTTAGCGGCTTATTTGTTAGGAAAAAGAACCAGGTTGATGGT
GGATCGCCCTCTACTTGCTGGTGAGAAATCTGTGTGACATTTTCTTTTGCATGACTTTCATTTTACTCTTAGT
AGTCAGGTGGGGGAGCATATGATCATTTGTGTACATTTGTTGCCTGTAAATTTGTGCTCAGGTAACCAAAAAT
GACCTTATAAGCAACATGGATGAGTGATTTTGTATGTGGGGCTGGTTTGTAGATTATTGATCAAAGCATATAT
TGTATTGAGATTTTCTATCTGCTATCGGAAAATTTGGTTGCTAATCAAAGTATGATTTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_2680 NM_121951|Arabidopsis thaliana atnudt20 (Arabidopsis thaliana Nudix hydrolase homolog 20); hydrolase (atnudt20) mRNA, complete cds

CTCCAATCCATTTCCATGGCCTCCAAATCTCTCGCGCACAGCTTTCGTAATTTCTCAACTGTCCCTTCCTTTTGCA
TCGCTTCAACAATTTTCCGGACGACGTATACAACGATCTCTACATTTTCGCCCCAACGTACACCGCTCGATATCG
GTTGCTCTCGTCTGTATCGGTACCCCCGGCAGTTTCACTTGGGACGACGTTGTCCATGTTTCTTCACCAGA
AAGCTTTCAGGATGATCCTGCGGATTTGACGGGCTATTTGAGAAGGTCAAGCTCTGCAATCGCGGATCAGAT
ACGCAATCCGAATTTTTTCCGTTTGTATCGATGGCCAAATTGTAGGCTACGTGCACCACGGTTTCGCTAAACA
CCTGCAGCAGTATCCGAACGTGTTTACCTTCTCTCAAGACGATTCTGTAAAGTTGGGGCTTACTTAACCTTGC
ATGAATCCTTGAAGACACCCGAAGATAGGACGCGTGCAGTTGGAGATGTAGTTAAATGCTTGGGTGAAGAAG
TCATTCCGGGCACACGGAATGAGCTTTTCCCTGTTACTTCGTCAATTTGGTGCGCCGAACTTTTTCACTCGAAC
GCGCTGCAGCCCCTTATTTTGAATAAAGCACAGGTTTATGGTGTTTCATATGAATGGTTATGTTGAGAAGGAG
GGAAAGAAGTTTTTGTGGGTGCTAAAAAAGCCAAACAAAGCCAACTTTTCTGGAATGTTGGATCATTTAG
TAGCTGGAGGGCTGCCTCAGGGCATCTCTTGTGGGGAGAATCTGATGAAAAATGCAAGGAGGAAGCAGGC
ATACCGAGATCAATATCAAAGAGTAATTTCTATAAAGAATTTGACAATGGACACGAATGTAACCTCCATGT
A

>trans_s_2681 AF329934|Gossypium hirsutum ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase
activase 1 mRNA, complete cds

CAAGAAGGGAAAAATGTCCTGCCTCTTCATCAACGATCTTGATGCAGGTGCTGGTCTTGGTGGTACCACT
CAATACACCGTCAACAACCAAATGGTTAACGCCACACTCATGAACATCGCCGATAACCCACCAATGTCCAAC
CCCTGGAATGTACAACAAGGAGGAGAACCCCCGAGTTCCAATCATCGTCACTGGTAACGATTTCTCCACTCTCT
ACGCTCCTCTCATCCGTGACGGTCGTATGGAGAAATTCTACTGGGCACCCACTAGGGAAGACCGTATCGGTGT
CTGCAAAGGTATCTTCCGTACCGACAATGTGGCTGATGAGGACATCGTCAAGTTGGTCGACACCTTCCCAGGC
CAATCCATCGATTTCTTCGGTGCTCTAAGGGCGAGAGTGACGATGACGAAGTAAGGAAGTGGGTCTGCGCA
GTTGGAGTCCAGGCTATTGGGAAGAAGCTTGTGAACCTCAAAGAGCCACCACCGAAGTTCGAGCAGCCAGCA
ATGACACTTCAAAAGCTGTTGGAGTATGGTAGCATGTTGGTTCAAGAACAAGAGAACGTGAAGAGGGTGCAA
TTGGCTGAAACTTATTTGAATGAGGCTGCTCTTGGCAATGCCAATGAAGATGCCATTACTAGAGGAGCTTTCT
AAATTAAGCTTGTGTGTTGGTGTCCAACCTATTTTCATGACAATCATCATCAAGTTTGTGTCTCTGTGGGGAAA
GGAAATGAGTGCTCTCATTATGTGAGATTCTCTCATCTATATATTCTTCAGGCCTTTTTGTTCTTTCTTCTTCT
TCTTTTGTGGAACCAAAATCACATATCAAAATAAAAGTCATTTCTTACTTTTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_2682 BT025543|Arabidopsis thaliana At5g57345 mRNA, complete cds

CTTCCCCCATTTCTCAATTCTCCACAAAAACAAAAACAAAAAATCTTAATCCCTTATTCTACATCCTTCC
CTTCCGCCAATTCACCTCACCATGTCATTACCTTCTCCCAACTCAGTTTTCTCTCCACCGCCTTCTCTTCTCCT
TCTCCCTCCACGGGCCACAACCTTCGTCTCCTCTATTCTTCCAGTGCCGTCGTCTCTTGCAAACCTCCCTCCCGC
TTCCGATGATCCCAAGGGAAATGAGAATCGGGTCGCGAAGCTTGCGATTGTTACTTTAATGGCTGGGATTCTG
ACATTGGGATCCGTTTCATGATGCTTCCGCCGCCAAGACTGGCGGCCGAGTCGGCGGTTCAGGCCTTCCGTTCCGG
CGGCTCCTCGGCCGTCGTCCCCGAGAATCAACAATAATTCTAGGACAAATATATACATAAATCCAAGAGTAGC
ACCTCCATTAGTAGGTGGCTATGGGTTTGGATATGGTGTGCCATACTATGGTGGATGGGGATGGTCACCATTT
TCATTCTTTCACCTTCCCCAACAGTTGCTGTTGGCATTGGAGGAGGTCTTGATGTTCTTTCTTCTTCATTTTGC
TTGGTTCTGTTGCAGCTTTTGTGAGAAAAATCCTTGGAAGAAGGGAAGCAGATGATGATGATTACTAATGACA
TTCAAGTCCTTGATGGAAATGTTGGGTTCATACTTTGTATTACACTTTTAACTTTAGCTCTTTAGTGCGAGA

GTTTTCTTTTGTCTTATTTGCATTAGAGGAGATGTTATGTAATTAAGCTTAAATGTATAAAATGTATAGTC
AACCTCAGTTAAAAATACATGAACTAAAGAAAATATATAACTATTTAAATACCTTTTTCTA

>trans_s_2683 EF416280|Casuarina glauca auxin influx transport protein (AUX1) mRNA, complete
cds

CCACTAACATTCTTTACACATTCGGAGGCCATGCTGTGACTGTTGAAATTATGCACGCTATGTGGAAGCCTCAG
AAATTCAAGTACATCTATTTGATGGCTACATTGTACGTTTTACCTTAACTCTTCGTCAGCCACCGCCGTGTAC
TGGGCTTTTCGGAGATGAGCTTCTAAACCATTCCAACGCCTTCTCCCTTCTCCAAAATCCGGCTTCGTCGACGC
CGCCGTCATCCTCATGCTCATTACCAAGTTCATTACGTTTGGGTTTGCTTGTACGCCGTTGTACTTTGTGTGGGA
GAAAGTGATTGGAATGCATGATACGAAGAGCATTTGTTAAGGGCTGTTGCGAGGTTACCGGTGGTGATTCC
AATTTGGTTTTTGGCAATCATTTTCCCGTTCTTTGGGCCTATAAATTCGGCGGTGGGAGCTTTGTTGGTGAGTT
TCACAGTATATATTATCCCTGCCTTGGCTCATATGCTGACTTACAGAAAGGCCTCTGCTCGTCAGAATGCTGCA
GAGAAGCCTCCATTCTTCATCCCGAGCTGGGTTGGAATGTACGTATTGAACACGTTCTGTTGGTGGCGTGGGTTT
TTGTGGTTGGGTTTGGGTTTGGAGGATGGGCTAGTATGACGAACCTTGTAGGCAAGTAGACACCTTCGGACT
TTTCGCAAAGTGCTATCAGTGCAAGGGTCCCCGTTACCTGCGATGGCTCCAAGTCTCATCATTAACTCTGG
GCAGCCACTGGGTTCTGTTTCGGTTTCGGTCTTGGTCTTGATCTCGATCATCTCCTCCACTTTTTGTATCATACC
AATGGGGGGGAAAATCACTAGCCTTTTGTCTATGGCCCCCTCTCTTTGAGTGTGTAGAATTTCTTCTAC

>trans_s_2684 AJ006236|Nicotiana tabacum DNA fragment for K81 left T-DNA border

GAGCAGGAATGTCTTGGGTCCGTTGATAAGGCTGGCGCGAGAGCGAGGAAGAATATTAGCTCAGGCATCGC
TGCTAATTGTTTTGTGTTATTTGTCCGCTGTAATCGTCTTTGAAGTTTAGACGCGTTTGATCACTTAATTTGTTCA
TGACTTCGAGCAGTTGGAGGAGATCATTTGGGAATGTCAGGTCCTTCATCGGCAATTCGATGGGCGGTCTCA
GGGGTGGTGCTAATCTCGCTTCTTGGGTTGTGGCTGGAACCCTCGCTTACTACCTTTGGGTCAAGCCTTCCCAA
GACCTCAAACGGGAACAGCAGGAAAGGGCTGCTCTTGCAGCTGTAGATCCTCATCGGTATATTGAGAAGAGA
AAACCTATTCTGATCCCCAGGAACTGGTTTGATATATGGCAACAAGAATACACCTCAAAAACCCGAGGAAT
GAGCTACAGAGAGTGAAATCTTTGGAGAAATGTAACGGCTTAAGCTTTTCACTGATCAAAGTTGAAGAAGGG
GGTCAGTAATTATAATGTTGGTAGAAGCTAGAGCCTAAAACAGTGAAGATTAGAAGGTGATAAATGAACAAA
ACTGTGTGGTTCAGTAAAGAGGTGTGGTCAAGAGACTTGAATCCTTTAATGGAACCTTGAGTTGAAGATTGA
AGAAGTTGTGTACTTTGCGTTTGGCGCTGATGAACAATTGGATTGTCTACCATAGATTTATATTTCTAATTTCT
AAAAAGATTGTCTACCATAAGAATTTGGTTATTACTTTAAGAATTCAACTTTGAAATTTGTGTTTCTATCCGTC
AATATATATTGTAAAAAATGATTGATTGAAATCAGTAGAGTTTTGGTTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_2685 NM_128586|Arabidopsis thaliana GCN5L1 family protein (AT2G30330) mRNA,
complete cds

AAGCTGGGCGTGGTATGTGAATACACCATGAAATCTTCGTCGGGGCAATCACGGCCGGACCTCCCCGTACCG
CCTAATCGCGCAAGTTTCAATCGGACACGGAGAGATTGAGCGCTGATGTAGGTGGATTGGAAGCTTCATTG
CTTCAGATGGTCAGTGATCATCAGTACGCCTCTCTCAAGCTCAGGGAAAACTCTGAGAAGGCGAAGAAAGAT
GCCATACAGAAGGCGGTACGCGTTTCGGATCTTTAGTCGATACCGTGAATGGTGGAGTTCAGGAATCTTTTG
TCAATCAGAAGTTGATTGAGCTTGAAATTAGGGCTTTAGCGACTACGATTGCAAGATTTACGAAGCAAACCGA
TCAATGGCTTGCCGCCACTCACGCTTTGAACACTGCCGTTAAGGAAATTGGAGATTTTGAGAACTGGATAAAG
ACCATCGATTTTGATTGTAAAGCATCACTACGGCCATCCATAACATTTACCAAGACTGAAATGCTTGTAGTTA
AAGAATCAACCAGAATGTAGTCTGTAGAGTCGAGAAAAAGATAGATCCTCATCCTCTGCTTTAAGTTTCTCTGA
ATCTCTGCCCCATACATGGTTTGATAAGTTCAAAGGGTGCAGCATGCCAGATGAAAAGCCTTAGTAGCTTA

GAACATGACAGTCACCTGGCGTCTGCTACCTCGCTAATTGTATAAATGATTGTTGCGACTCTGTTTTTATGTTCA
CTGATTTGTTCTTCATTAGCACATCGCATGTTACCATTTTGCCATTTATTGCCTATGTAAACTGCAGTCTTCACT
GTGCAACTATTAGCAGCTTCCATGTAATAATAATATCTACATTCCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_2686 NM_001053848|Oryza sativa Japonica Group Os02g0595400 (Os02g0595400)
mRNA, complete cds

TCCTTTTCACTTTCAGCAGCTTAAAGCTCTGAAACCCTAATTCCCAAATCTCTCCATGGCGTGCACAATCGACT
TCCGCCGCTGGATGAGGGTTTTGGTGAAAAACGTATAAGAGAAAGCGTGAAGAAGCTGAGAAAAGCCTC
ATCATCACTGAATCCGAAAATGCCGACACCGCAATGGAGATCGACGACTCACTTCCACCACCACCTGCCAAGC
GATCCGCTATTCTTCTCGGAAAATCCTGATAAACCCACTTACGGAAACCCACATATGACGGCGTGATTGCC
GGAAAAGTCTCCGGACGGAAGTGGAACAGCCGCGGAAGCACAGGACGTCCGCTATGCAGGTGAGCCGTAA
AGGCACCACGTTTCGAGGAGAGGGAGAGGCAGAAGATGATTAAGGCGGCGTTTAAGGAACGGAAGGAGGAG
TTGAAGGAGCAGATTAGGTTAAATAAGGTGGAGAAGAGAAAGAAGAGGGAGGAGAGAGAGAAGAAGAAG
AAGGAAAACATTTTGAGATCTGGAATAAGCTACAAAAGATTACAAATCCCAAACACTGAAGAAGATTGCA
AAGTCTAAGCAGAAGAAGCTCCTCAAGGTTGTTCTGAGGATTACATCAAAAATAGGCCCGTCGTTCTGTT
CTAAGGTTTTTACACCACCTTTTGAGTAATATAGAGAGATTTATCTGTTTTCTTTGGAGTTTTGGCCGAATTT
CTGTATCATTAGTTCTAAACGCATAAAAAATGTTGCGGAAACCAAAGCATATAGCTGCATTTCTTGATGTTTATA
TTTCTAACAAATATTAGAAATTTTGATTAATCATCTTATTTGGATCACATTTAGAACTAATATCATTATAAACTAC
AGCCCATTT

>trans_s_2687 D12522|Arabidopsis thaliana APK1 mRNA for tyrosine-serine-threonine kinase,
complete cds

ATGGTGACCAATCATGTGGGTTGCTGATCCAATAAAAAGTGCTTAGTTGTTTGCATGTAAGCTTTGAAGGTGG
GAGAGACCTGTTCACTTACTTCTGATGGGCATCTGCTTAAGTGCAAAACCTATATGTGAAAGTGATGATAATA
CAGGGGTGAAGTATTCAAAAGATGATAGTGATAGCAATAATGGAAAGGATAATGGTAGTGCAAGTAGCAAA
TTCTCATTGGCTTCGGTGCTCCAGCCCCTCGGAGCGAGGGTGAAATCTCTCAGTCCTCCAATTTGAAGAGCTT
CGCTTATGAAGAGCTAAAAGAGGCAACACGAACTTTTGTCTGATAGTGTTCTGGGAGAACCTGGTTCTGGT
TCAGTTTTCAAGGGCTGGATTGATGAGCATTCACTTACTGCTACCAAGCCTGGAATGGAATGAGTATTGCTG
TCAAAGGCTTAACCAAGATAGTTTTCAAGATCACGGAGAGTGGTTTGAGTGCATCTCTTGAGACTAACTG
CAGAGATGTCTCATTATCATACCTGATTTCTTTGTCTTTTCTTCTCATATTGACCTCTCTTAGCATCAGATGGCT
GTGTACTAAAGTGACTTATTTGTTAAACAAATTTGTCATTCTATGCTGCACAGATACTCATGTTTCTTTATC
AATTAGGCTGAAGTGAATTTTCTGGGCCAACTTGTTCACTTCTCACCTTGTAATTTGATTGGCTATTGCATGGA
CGATGAGCAACGGCTGCTCGTGTCTGAATTCATGCCTCGAGGAAATTTAGAAAATCATCTGTTCTTTTCGGGG
TTCTAATTTCAACCTCTTCTTGGGGCCTCCGTTTGAAGGTCGCACTTGGTGCTGCATTTCCCGAGCGGAAAGA

>trans_s_2688 NM_115267|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT3G54070) mRNA,
complete cds

AACATTTTACATTTGGCTGCAAACTAGCTGCTTCAAACCATCTCAATAAAGTCTCAGGAGATGCACTTCAAAT
GCAACATGAATTACTTTGGTTTAAGGAAGTGGAAGAAGATAGTTTTGCCTTCCCAATTGGAGGCCAAATGTGAT
ACAGATGATGTTTCTATCAAGTTAACACCACGTGAATTATTCACAAAAGAACACGCTCATCTTCGCCGAAAAG
GCGAGGAGTGGATGAAGAACACTGCAAACTCATGTATGCTTGTTGCCACTCTAATCGCCACCGTAGTTTTTCGC
CGCAGCCTTTACAGTACCCGGAGGTGGAGACAATAGTACTGGCACTCTATTCATAGACGGGAAGTTTGTTTC
ACTGTTTTTGTAAATGTCAGATGCAGCTGGTTTGATCACATCCTCAAGTTCTATTTTGATGTTTTTATCGATGCTA

ACTTCGCGTTATGCAGAAGACGACTTTTTGCACTCGCTGCCTTTAAGATTACTGTCTGGACTCACAATGCTATTC
TTCTCCATCGTATGCATGGTCGTCGCCTTTACTGCAACCTTCTTTTTGCTCTACCATGAGGCTAACATTGGTATT
CCCATCACTATTGCTGCAATGGCAATTATTCCAATTGGTTGTTGTGCACTTCAATTCAAACTGTGGATCGACACT
TTTCACAACACTTTCTTGTCTAGATTTCTTTTTAAGCCTCGTCAACGAAAATTTCTCTCATCATATTCAATTCTTGT
AAATATTGCACGTGATACCAACTAGCTAGGGGTGTTGCATTGGTTATGTGAGAACACTACTCTTGTTAAAAT
AACAGAATTGAAATGTATATTGGGTTTCATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2689 AB055118|Cucurbita maxima Puga mRNA for glutathione S-transferase, complete
cds

AAC TTC CAA ATT GAAC AAA TCCT CCATT GAAG ATGAC AGA AGTGA AGCTAC ATGG AGCTTGG CCAAG CCCC TTTC
AGTTACAGAGTCATTTGGGCTTTGGA ACTCAAAGGCATTCCCTACGAATACATTGAAGAAGATCTCTAACA
AATCTCCTCTGCTTTTGCAATACAATCCTGTTCAATAAGAAGATTCCAGTCCTCGTCCATGCCGGAACCCATCT
GCGAATCCATGATTATCCTTCAGTATATCGATGAGACCTGGCCAGAGAATCCCCTTTGCCCTCCGATCCTATTC
AGAGAGCTGCAGCTCGGTTCTGGATCAAATTCATAGAAGACAAGAGCATGGAGATTGGGGATTATTTATCG
CGGAAGGGGAAGAAGATAAGGAAAAGGCGAGAAAAGCAACCTTGAAGTGTTGAAGACAGTGGAAGAACA
GGCACTGGGCGATAAGAAATCTTCGGCGCGATGAAATTAACATGGTGGATTGGCGTACGGGTTCTTGCG
GCGGTGGCTGCCGGTGATGGAAGAGCTGGTGGACGTGAAAGTCCTTGAACCAAATACAATCCCCGGCTCTA
CGTTTGGGCAGAGAACTTCGGAAAGCCGCTGTGATCAGAAACAATCTGCCGGATCACGACGAGATGGTGCC
GCGGCTCAGTCCCGGAGGGAGCAGGTGTTGAAAATGGCGAAGAAATCATAAGTGCGATTCCAGATTTTGAT
TTGGGAAATTAGTGGTTTTGGATGTTTGAGTTTTATCTTGTCTGGGTGTGTTTGTATTTGTGAGTGTCTCTACTC
TTTGCTTGAGTTTATACAAAATAAAATGAAGCTAAGCCACGTTTAACATTAAAAATTTGGTATTGGTTCGCAA
AAAAAAA

>trans_s_2690 AY500307|Arabidopsis thaliana At2g39160 mRNA, partial sequence

GCTGGTTGTCCTCCAAGGCAAGCCCCACAGGATTCAATGGCAGACCTCTGCTGACGAATATAAATTCGAATTT
GTCTCTACCTGCCATCATCTAACTTTTTCCATAAAAAGCTTCAAGAAGAAGAAGAGGATAACACCCATTGCT
GCTATCTCTCTCAAGAACCACTGACCGCCTTGTTTTCTAGGGTTTCCTTGATGAAGTCCATTACCTTTGAAA
GGATGCATAGATTCTCCACAGTTGACGGCTTTGTGGAGATAGCTGAAAGCTCAGCAGAGATGATCAAGTATAT
AGCAATGAACCTTCAACTGGGCTTTTCCACATTCAACAGCATACAAAAATGCTGTTCCCAATGTTATCAATC
TGAAGAATAGTGTGGTAGACAAATCTCATGAAACAATCTCCACACTGAAGATTCAGAGGATTCAATCGCAAT
GTTAAGATCGATGAAAGAATGTGGTTTTCTATTGCTGATGAGATGATCAGAGACATAAGGAAGTCTCTTGCT
ATAATGTCAACCAAACAGCCAAGAAGGGGCTTGATCCATAATACTTCTGGCATGCAGCAACAACAGCCAGGG
AGAATGAGCACTTGGAGGTCGGCCACTTGGGGGCGAAGAGCAATTGGAGCCCCATTTAATGATGACAGTGG
AGGTTATATTTGACAGTATTCAAGTCGGCAAGAGAAAAGACGAGCAACTTTAAGTGGCCACAACCTTGACATC
AAGGAAGATCTTGCATATGTTGAAGTTGATAAACTACAGCCACAATCCATCCAACCACAGTTGCTTCTACTAC
TTCTAGCTCGTCACAGCCAGATATGGACAATGAGGAGTTGCCTCTGTCCAGTCAAGTAAATGATGAGTCGCAC
ANGA

>trans_s_2691 NM_001060496|Oryza sativa Japonica Group Os04g0628600 (Os04g0628600)
mRNA, complete cds

TCAGAAAGTTGATTGATCGATGGGTCGAATTGCTGCTGGATTTCTTAGGCTACTAAAGCTGGAGGGTTCTATTGGTC
AAGCCACCTTGATCAGCTAAGCAACCTTGGAAGTGAAAGCATTGACAAAATCTTCACTCCAGAAAAGCTTAG
CAGGGGAAGTAGTCTGGCCAGTTTGGGAGTGTCTCCGTCAGCATATTTGATCGGGGAAAGCCCACGTCCAAC
CATAGAATCTACAGTGAATTCTCTGGAGCAGGCTGTTCTTGATTCCCAATCTAAATGCACTTCTCTCATGACCG

>trans_s_2692 AY116951|Arabidopsis thaliana At1g32540/T9G5_1 mRNA, complete cds

>trans s 2693 XM 002320356|Populus trichocarpa glutathione peroxidase (PtrcGpx4), mRNA

>trans_s_2694 NM_001185483|Oryza sativa Japonica Group Os01g0550600 (Os01g0550600)
mRNA, complete cds

TGCCAGATGAAAACAATGGCACGTGGTCTGAAGTCAAGATTATAAAGATAAAACCAGGAGAAGAGCAACAA
AGAAATAAAGATTCTGTTGGAACAATAAGGGAGGATGCTGTTGAGAGAGAAGAGACTGCTCCCTCAAACCC
GTTGAGGACAGAAATCCATCTATACAATCTCCAGGTACAGAATTTGAAGATGAAAAAGAAATTCCTTGTCACA
GTCCTATTCAAGAAGCAAGCCCAACATTCCACAGGGAGTTGATAATGCCGAATCGTTGGCATCGATCGGGCA
GCAGTTTGGGAAGAACTTACAGTGCTCAATGGAGGATGGATATTCATGCTCTAGGAGTGTCTTACAAAATCAAA

AGACTGAAGCACCAATTTCTTCTACTTGAGAGGCTCGTTGGAAAACAAGAACTGCTCGGAATTCGAAAATG
AGGATAATGGACAAGTTGGCATTAGAGAATTTCTTTGTTTCTGACACTGCTGAATAACAAGTGGGCAGATA
TAAATTCTCTGCAGGAGAAAACTGATGAACTCTGCCAAAGGATGCATGATTATGAAGCCAAGTGAAAATGTG
GAGAGTCTAAAGTAGTTAGAACGAAAGGGAAAAACCAAAGCGCTAGAAAACTTCCCTTGAACAGACATTTCAA
CTACAAAGATACCTCGTCTTAACAGGCCAAAAATGGATGGAAATTCATCCAAGATTAGCCTGGAGTTCGCCA
AGGTTTCTGATGAACTTCAAAAGTCCGGTAGCTTTGATGTCACGCGCTTTGCCAGTAGTATTAGAACTCTCTTC
CAAGAAGTTCAAAGAGGTCTAGAAGTTCGAATAACTCGAATTATCGGAGGATTTAGAGGGAACTTGGCGTGC
GAGGGTATGA

>trans_s_2695 BT012127|Arabidopsis thaliana At4g36660 gene, complete cds

ACCCTCCCAGTTTCTCTCTGAAGTGAGAGAAGAACTCTCTTCTCCGTCCAAATCTGGTTCTACCTTCGATTTAG
TGAGGAAAAAAGAAAAAAGCGACGCCAAAAATCCTCAATTGTTTGTACAATCGATTTCTAGGGCTGTGATT
TGAGTATTTTGATTTTGATTTTGATTTTGTTTTTTTAAATTTTGCTTCTTATTGTCGTTGATCGATATGAAGGA
CGACGATGTCCTTCCAACGACGATAGCGAGTGCCGGGAAGAAAGAGAGCTCGGTTTCGAGTTTATTCGGCAA
AGGACGCTACAAATTCTGGGCATTGGCTGCCATTTTGTGCTCGCATTTTGGTCTATGTTACCCGGTACCGTCT
CTCTTCGATGGTCAGCCGGTAATCTCAACGGCCTATCAGATGATATCGATTTTAACATCCATGACGATCTCGAT
GTGCTTGAGATGGAGGAAAGGGAGAAGATAGTGAAGCACATGTGGGATGTTTATACAAATAATCGCCGGAT
CAGGTTACCGCGTTTCTGGCAAGAGGCATTTCGAGGCTGCGTATGAGGACCTGACCAGTGAAGTGCCTGGTGA
TAGAGAGGCTGCAATTTCCGAGATCGCTCGAATGTCCGTGCACTCCGTTGTTCTTGATACGCCCTTCGGACCAAT
CCACGGCTGCACGAGAGTTCACAAAGAGGGCAGAAAATAGCAGATAAAAGCAGGCAGGCAGCTACAAAACT
GGGAGTAAGCTGTGACATGAATGATCCAAGGTCGAGGCCTCTCTATTCTCTGCCTTTTCAGCCATTAGATGC
TGTCTGAAGTTTGTAGGAGGCAGTTATTGGCAATCTATATTCTTTAAATTTTGATATTTTTTCCCCTTGCTTTTA
C

>trans_s_2696 AY093751|Arabidopsis thaliana AT3g17930/MEB5_15 mRNA, complete cds

ACTCCACAAGCTAAGGTTGAGCTATGAACCAATCATCCGTTGCATCTTCTTAATAAATTCATCCCTTCCACCTT
CGAATCTTCACATTCTTCTCTTCTTCTCTCCTGCAGTTGGATTGACCAATTTCTGCAACCACTCTTCTCTG
ATACGTGACAAGCGTTCCGGAATGGCTGTTTTTACTCATGGATGCTCCAATTTCAGAATTTTCTCTGAAAGGGA
AGGGACCTTGTTTTAGGTATTTTCGGCAGCTCCAGTTTGGCCACAGAGTGCGAGAGTTTACGGACAGTTTGCG
AGAGAGAGAGGAACTAGTCGACGGTTGTCAAAAAGGAACAACCTTGATTTCCCAAGGAAAGGATTTTTTGCC
ACAAGGAAAGTTGTCCTTACAGTCCCTAAGGACAGTAGCTCTTCAACACAAGCAGCAGCAATGAAGACCCTA
CAAATCAATCCGAGCAAACACCTTTTGGTTACACGAGGAAGGATGTTTTATTAATTGGTTTAGGTGTCACAGTT
CTTGATTTGGATTGAAAAGTGGATTAGAGTATGCTGGGTATGATTCTATGCAAGCAGGTAACGTCGTTTCAGC
TTGTTCTGGTTTTGGGTTTAAACGCTAGGATGGATTTCCACGTACATGTTTCAGAGTTTCAAGCAAGGACATGACA
TATGCTCAACAACACTACGTGACTATGAAGACAAAGTCATGCAGAAACGCCTTGAAAGCCTTACAGAAGCAGAG
CTCGTAGCATTACTCGAACAAGTCGAGGAAGAGAAGAGCCAATCAGCAGGCAGCGAGCAGGTTAATTGAAGT
CATTTCTATACCTGTTTATTTGAAATTATCGAACTAGAAATTGAGAAGCAAGGTGTTGTGCATAGTATTCTAT

>trans_s_2697 AB238208|Brassica rapa BrAO1 mRNA for aldehyde oxidase, complete cds

CATCTATGCCCCAGCAGAAGTCATCTCCTGTTGGTGGGAGGAACGTTACGTGATTCTTGGAATAATCAAAT
GACCTCTTCAAGTTCTGGAAATAAATTATCCCAACAGTCGCAGCAGCAACAACAGCAACAACATTTGGCGAAG
CAGACATTGCAGCAAGCACAGTTACTCTTCCCTTATATGCAGCAAGTTTCCATTCTTCTAGTAGTAGTGAAC
GTTTCACCTTCGAGTGTTTTTATCTTCTAGGCGTCGTCCTGAGCAGCAATCACAACCACAGGGCTCAGGAG
GAACGTCCTCCAATGGAATGCTATCCCTATGCCACCCTGTTACACTCGGAGGCAGCAGCACTACTGATCCTGCA

AAGGCTGTTGCTGCTGCTGCTGCGGCGGCTAACAATATGAAAGGCGGTGGCGGTGGTGGTTTACCCACACAA
GCCATTCTCCATCCTGCTCAGTTTGCAGCTGCACAGTCTTCTGGTAATCCTCATCAACTTGACCTGCAGGTTTC
CCTTACGTGCATACAGCTGCAGTGCAAGTGAAATCGACAGAGCAAAAACAACCTGCGGGTGGGTAGAGGATT
ATGGCTTTTGTCTTTAACCAACCCATCCAGCTACTATTATTTGAATCGGGACTGTAGACTTATGAACGATGAC
GTTTCTTGCCCGGAAAGGAAGTAACGGTGGGCGTATCTTATGGCAGCCTGATAAGAAATGAAAGTTCAAAT
AGAGCGCTAAAGCAGAACGGCAGTCTGAATGCTTGTGCGACTCTTGAACCCACATTTTTGGGGAAGCTATGA
GAGGAAGTAGGAAATATTGTCCTCCATTTGGGATGGGCTCAGATGTGGGGTGTTCAGTTATCTGTCTGGGTTG
A

>trans_s_2698 NM_111873|Arabidopsis thaliana SEC8 (SUBUNIT OF EXOCYST COMPLEX 8) (SEC8)
mRNA, complete cds

GGTAGCTGATATTAAATCTATCAATCTCTTTGGCGTTCAGCAGATATGTCGGAATTCAATCGCACTTGAACAGG
CGTTGGCAGCAATTCCTTCAGTTAACAGCGAGGTAGTACAGCAGAGATTAGATCGTGTGCGTACTTACTACGA
ACTATTGAACATGCCATTTGAGGCCTTGCTTGCATTTATCATGGAGCACGAGCATTGTGTTACTGCAGCAGAGT
ATGCAAATCTTCTCAAGGTCCAGGTTCCAGGAAGGGAGATTCCACCCGATGCACAAGACCGTGTATCCGAGAT
CTTATCTCGTTAGGTTTCGTGCCACTCATGTATCCGAAATCTTATCGCATTAGGTTTTGTGCCACTCATGTATCC
GAGATATTATCCCGTTCACTCCCCAAATGCTCCGGATGGCCTTTGCTCATGCCATATGCCATTTTCAGGGGTAT
CTGTTCTAAATGTGAAGCATATAGCTCGGTAGTTGTTGAAGTATAGCTGAATGGCAACCTTCGATGAATCATT
CTCCCTACGATGGAGGTTGCTAGCTATCCCACGGTTTTGTTATATGCGGTAAATTTAATCATTTCATTTGTGGC
GGTGGTTTTAAATCCTTGTGTAGAATCAATTTTGTTCTTTTTTTGGTTTGTGATCCTCTTCAGTAACTCAATT
CAGGTTGGTGAGAATTGATAAGGTTTCTTTTCATTTTTTTTAAAAATGTACATGAATGTAGAAACGTTTTACTT
GTATAAAAGTATATTATTGTTATTATTCTTCTTTTTCTTGTTTTTTTCACTAATTCATCTGAGGTGGGTGGTTC
TAACTTGAGTGATGTTTTTCGCTAGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2699 NM_180495|Arabidopsis thaliana proteasome family protein (AT5G15610) mRNA,
complete cds

TTTATAATTAAGAGCGTTGAGTTCACGCGATAAGCAAAAACTAGGGTTTTTCGCAGCCTCGAGTGTAGACG
ATAGGAAGAAAGAAGTTAGGGAGAGGTTCCACAATGGCCACCGTCGTCCAAACCTCCGAGGAAGATGCGGC
CCTCACCGTCGTTCTGTTTTGCCTCTGAACCTGCTTGGGCTGACGCCGGTCCCGAGACTGCTGAGCCACAAGTTA
ATAGACTCTGCGTTGAAGCCCAAGAATGTATGGTTATGGGAAGATGGTTGGATTGGCATCTCTAATGCTTAC
TTCTGCTGACTTGATATTTTCAAAGTGTCTGAAAAAGATCTTCTCACACTATTCACCATTATCTGTAATCTTGTA
ACAAAAGCTGGAAGTCCAGACGAATCACTTGAAATGGCAAAGCTTATATCTGCTAAGATCTGCCAACAAACCA
ATGACAAGCCTGCACTTCGTTTAAAGATCTTGTTCAATCTGTACAACCTGCTTGAGAATCCATATAGCCGGTTC
CATGTTTACATGAAGGCCCTGGATTTGGCTTTTAAAGGGAAGGCCCTGAACATATAATTCCAACATTGAAAA
AAATCGAGAGTTTCTTGAGAGAGTGGAATATTGGGATTGTAGAGCAGAGAGAACTTTCTCGCCATCTCTAA
TGTTTTGAAAGAAAGTAAGAGTTCTGCAAATGATTATTTCAAGTTCCTTACCAAATATTTGGCCACATTCTCGG
GTGAAGATGCAAGTACCTTGAGTGAAGCAAAGGAAGAGCTGTTACGCAATTGTTGAATTTGTGAAGGCAC
CAAACATGTTTAAAGTGTGATTTGTTGGACATGCCACGACATCCCGTTGACCTCTTCTACGGTTGCGCACATTT
T

>trans_s_2700 NM_121548|Arabidopsis thaliana EDL1 (EID1-like 1) (EDL1) mRNA, complete cds

GCATCATTTTGGAGCTCGGGTCTGCAAACTCCTTCATAGCACTCGCTTGGCGAGATCGTCAAACCATTTGC
ATGCACAGGAAAGAGTAGCAATCAACTTCGGGTTCCAGTTCAAATGCTGGAATACTAGGAATATTGCATCCTC
ACTGAGGTGCCCCCTTGGTGCAGTGGCAGCTTGTGAATGCACACACCGGTATTGCTTTGTGAGAATCATTCTT

>trans_s_2701 NM_001035851|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing protein (AT1G01490) mRNA, complete cds

>trans s_2702 BT021996|Arabidopsis thaliana At3g27230 gene, complete cds

>trans s 2703 FJ870998|Gossypium hirsutum ATP synthase beta subunit 1 mRNA, complete cds

TATACAGAGAAATGATTGAGAGTGGTGTCTTAAGCTTGGTGATAAACAGGCTGAAAGCAAATGTGCTCTTGT
GTATGGTCAAATGAATGAGCCCCAGGTGCTCGTGCTCGTGTTGGTCTTACTGGACTAACCGTAGCCGAACAC

TTCCGTGATGCTGAAGGACAGGATGTGCTTCTCTTCATTGACAACATTTTCCGCTTTACCCAGGCTAACTCAGA
GGTGTCTGCACTGCTTGGACGTATTCCATCTGCTGTTGGTTACCAACCAACCTGGCTACTGATCTGGGAGGCC
TTCAAGAACGTATTACCACCACTAAGAAAGGATCTATTACTTCTGTGCAAGCTATCTATGTCCCTGCTGATGAT
TTGACTGATCCTGCCCTGCTACCACCTTTGCTCACTTGGATGCCACAACCTGTGTTGTGCGCTCAGATTTTCA
GCTTGGTATTTATCCCCTGTGGATCCTCTCGATTCTACATCTCGTATGCTCTCTCCTCATATTTTGGGAGAGGA
ACACTACAATACTGCTCGTGGAGTACAGAAGGTTCTTCAGAATTACAAGAATTTGCAAGATATTATTGCCATTC
TTGGAATGGATGAGCTCAGTGAAGATGATAAGTTAACTGTTGCACGTGCTCGTAAAATCCAACGATTCTGAG
CCAGCCTTTCCATGTTGCTGAAGTATTTACTGGGGCACCTGGCAAATACGTGGAAGTGAAGAAAGTATCACC
AGTTTCCAGGGAGTTTTGGATGGAAAGTATGACGACCTTCCCGAACAATCATTCTACATGGTTGGAGGTATTG
AAGAAGTGATCGCCAAGGCAGAGAAGATCGCCAAGGAATCTGCTGCTTAGTTTTACTCTTAATTTTTTTCC

>trans_s_2704 AY070768|Arabidopsis thaliana At1g56200/F14G9_26 mRNA, complete cds

AGGAGCTTCACCGCCACATCTCTCTCCATAGCGAGACCTTCCGGAATCTCTCCTCCTTTTCTCTTAAGGAAGCTT
TCCAGCATTACCCTTTTTCGCTACTTTGTAGAGACGAAGCGCGTTCATCCTCGGCTTTCTCGTATCTCAAAAGG
TTATCATCTACCCTTGTAGATGGAGATGCTTACTACAAATTCTGCTGTGATGCTACCTCTTTTACCCCCAGATCC
TTCTTCATCTCTGAAGCTTCTTGTTCACGCTTCAAACCTGTTCTCATGCTTCTTTTCCATTTTCTTTGGTTTTCC
CAGTGGGTGAGCATTGGGGAAGAATGAAGGCCAAAGACTTACCTCTTAGGCGGTATAGTTCCCAGCATCAAA
CTCCTAATGGGAGGAGACAATCATTGTTTGCTAAAGCAGGACCGGTATTTCTCAAACCAATTCCATCTACTGG
GACGAAGGGAGGCATTCTATGTTCAAGTAGAAAGAAGAGTACTTTTATTTGTTGGCTGCTTTGAATGCTCGA
TGTGCAGCGGAGCAGACCCAGACAGTTACAAGAGAGGCTCCTACAATCACTGTTCTTCCCGGCAAGGAGAAG
TCACCGCAATTGGATGATGGCGATTCTGGATTTCACCTCGAGATGATGGTGTGGTGGTGGCGGCGGCGGC
GGCGGCGGAGGCAACTGGTCTGGTGGGTTCTTCTTCTTTGGTTTCCTTGCTTTCTTAGGCTTTCTAAAAGATAA
AGAAAGTGAAGGGCCATATCAGGATGATCGGAGAAGATAAATATACTTCGATTAAACATATGTAGATTCTAG
ATTTATACTTCAATATACAATCTCATGATAAACGTTTGTCTTAGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2705 AF030384|Cucumis melo ADP-glucose pyrophosphorylase large subunit (mlf2)
mRNA, complete cds

TAAAGTGAAGACTTTTGAAGGAAATCAGTCACCCCCAGTATAGACGTGTCTTGTAATGCCAAGCCAAGTCAT
CCATTGGATGGTAATACTGTAAAGAGCACTTCTTCTCCTGTCAATATTGATGATGAAAAGGTATGCAATGCATC
CCCATCAGGCTCTCAAACAGAAGAAAAGTCGGTTCTCCTGTTATGGAGGTTTAGCTGATTCAAAAGCTGAA
AAATTAGAGCCATGTGACGATGTTCTGATAAGAATCTTGATGTGGTTGAGAACGAGGTTGCAATTTCTTGCG
AGAATGCATCCCCGAGTAAGAACCCTGTTCTTGCACTTCTACTGCAGGGAAGGAGACTAGAAAGAGGAAAA
AGAAGATCAATAAAGATGTTGGTCAAAAGAAGCCCAAGACTGGAAAGGCAACAATAGTCCTGGAAATTAAGT
AAAAATAGAGCTGAAAATAGAAATGCCAAGCAATATTAACAACCTTAATATAACTTGTGAGTTTTAAGAGAGT
AACTCATTACAGAGATGAGATTTGCTCATCCAAGAAGCTAATGTCAAATGGCTTTGAAAATTGTTCTTTATG
ATATAAGGAGTTGTTATTACTCAGGATGGAAATGTGTTGCCTTCCAACCTTTTACATATATGAAAAGAACTAG
TATTTTACATTAAGGGAAGTTATACGCTATTACTCGTTGCCGAGCATTGTAGGTTGAAAGCCTCTAGCAATTGC
TTCCTTTCAACTCTCAGCTATCTCTTGACCTGAATGAGAGGTTGCCTTTGGATTTTAAATAATGGTTCCATCTTTT
ATTGTTGCATTCTTCAACGTGACTGTGATACCGGACCTTATATAAAAACCTTCTTCTGGTCTATCTGCTTCTT

>trans_s_2706 AF302931|Lycopersicon esculentum plastid quinol oxidase mRNA, complete cds

TCGGGAAAGTGCCAACTGCCGGCTAACAAATCTTCCGGGGTTCAGCCCCATACTCCCCACTTTCTCTTCCACG
ATTCCAACCTTGATCTCAAATCTACCCCTCCCTCCAAAGCTATGTCAATCGCTCTGTCTTCTCTCTTCCGGCA
GTTTTTGCTATCTCCTCCGTTGAATTGAAGCCAAGCAACACCAAGAATGTTACCTCCTCAGAATACCCACTTCC

TTCTCTGCACGCCCTTTAATTTCCAGAAAATCATGTGCGGGTTATGGCAACTGTTCTAAAGGAAGATGAGGAAA
AAGTGGTTTTGGAGGAATCATTCCCTCCCAAGGCTTCTCCTGTTCAAGACGGGGAAGGAGGCAGTGGCCAAG
GACCACAAAGTTCATCATCCAATGGCTTGGATAAATGGATCATTAAGCTTGAACAATCTATTAATGTTCTTCTC
ACGGATTTCGTAATCAAAATTCTTGATGCATTTTACCACGATAGACACTACGCAAGGTTCTTTGTGTTGAAAC
TATTGCAAGGGTCCCTATTTTGC GTTTGTGTGAGTTCTTCATATGTACGAAAGTTTTGGGTGGTGGAGAAGAG
CAGATTATCTGAAAGTTCATTTTGTGAGAGCTGGAATGAGATGCATCACTTGCTGATCATGGAGGAACTGGG
GGGCAACGATTGGTGGTTTTGATCGTTTTCTTGCTCAACATATTGCTGTTGCTTATTACTTTATGACAGTATTTAT
GTACATGATTAGCCCAAGAATGGCATATCACTTTTCTGAATGTGTTGAAAGCCATGCATTTTCACTTATGATA
AATTTTTAAAGGCCGAAGGAGAGGAGTTAAAAAACAGCCTGCTCCTGAGGTTGTCGTGAAGTATTA

>trans_s_2707 AY899280|Capsicum annuum Sgt1b mRNA, complete cds

ATAGTTCTTCTTCTCTCCATTTTTCTCACCATCGATTCTTAGCGCTGAAAATGGTAAAGTGTTTATCTCTCATCA
TCGCTCTCTCCCTCCTCGCAGCATCGGCGATCGGCAAAGAGGTCATTTCCGGAGAATCGGATGGAGATTTTAT
AATCCGTCAGGTTGTGGATGACGGAGGAGTCAACGGAGCAAGTAACGGCGACGATCTGCTACTCGGAGCCG
AGCATCACTTTTCGGTCTTTAAGCAAAAGTTTGGGAAGTCGTACGCGTCCAAGGAGGAGCATGATCACCGGTT
CAGGGTATTCAAAGCCAATCTGAAGCGAGCTCAACGCCACCAGGCTCTTGATCCCTCTGCTACTCATGGCGTC
ACTCAGTTCTCTGATTTGACTCCTTCGCAGTTCCGGAGATCGTTTCTAGGGCTTAGAAGTCGTCGTCTTGGACT
CCCTGAAGATGCTAATAAGGCCCTATTCTTCCTACTGATGGTCTTCCGGCTGATTTGATTGGAGAGATAAAG
GTGCTGTCACGGAAGTCAAGAATCAGGGTTCGTGCGGATCCTGCTGGAGTTTCAGTGCAACAGGTGCTCTTG
AAGGCGCCAACCTCCTTGCTACCGGAAAACCTTGTTAGCCTTAGCGAACAACAGCTTGATAGATTGTGATCACGA
GTGTGATCCAGAAGAAAAAGGTTCTGTGATTCTGGCTGCAATGGAGGGCTAATGAATAGTGCATTTGAGTA
CACATTGAAATCCGGTGGACTTATGAAAGAGCAAGACTATCCATACACCGGTACAGATCGAGGAACCTGCAA
ATTTGACAAGAGCAAAATTGCTGCATCAGTGCCAACTTTAGTGTTGTCTCCTCCAGGTCTCCACCGCCATCA
TTGG

>trans_s_2708 NM_001063044|Oryza sativa Japonica Group Os05g0594800 (Os05g0594800)
mRNA, partial cds

AAAGAAGAGAAGAAATATCTCAATCTACAGATTCAGTGCTTTCTTCTCTTCGGATTCCCCTTCTTCCCACAACT
TCCTCTATCGATTTCTTGTTCTTGTGTTGGAAGGTGGATTGAATAAGTGAAGATATGGACTCGTCGTCTAT
AGAGGCTGTTCCAGCAATGCAGGAAATACTTCTAGAGTTTCGTGCTGGAAAAATGTGTTTTGAAGGAAAAAG
GGTTGTACCTGATACACGCAAAGGACTTGTTGTTGGAAGGGGTGAGGAGGGATTGCTGCACTTTCAATG
GCTTGATCGGACACAAAATGTCATTGAAGATGATCAGATTGTTTTCCCGATGAAGCAGTTTTTGAGAAGGTT
AATCAAGCTTCAGGAAGAGTTTACTTATTGAAGTTTAAAACAGATGACAGGAAGTTCTTCTTTTGGATGCAGG
AGCCCAAAGCTGAAGATGACCAGCAGTTATGCATCTCTGTTAATGACTACATTAATCGGCCACTGGAGTTTCTT
GAGGAAGAAGAACCCGTTGCTTCCACTCCAATGCACGTTTCAGAGGGCACAGTCGAAGAAAATACCCCATCG
AGCTCCTCACTACGGCCAGTGAAGTTGGAAGACCTGCAAAGAATTTAAGTAACATCGAGCCATCTGATATTG
ATGTCGATCCAGATGCAGGTTTTGGATTAGGAGACTTATTGAAGCCTGATCTGATAATGCCAGTGCTGGAAAC
GTTACCATTGGAACAGAGTTTAGCATCATATTTGCCTGAGGGTCCATGGACTCCTGAGGATATATTGGAGCTT
TTACAAAGCCCACCCTCCGTCAACAAGTAGATTCATTTACTTATGTTCTCCGGACTGGACAGATAGATTTGTCT
CA

>trans_s_2709 NM_001052391|Oryza sativa Japonica Group Os02g0141000 (Os02g0141000)
mRNA, complete cds

ATTGCTCAATAATTGTACTCGACAATCGTCGCTGTGAAAGATGGGTTTCGATCGCGCCGTCGCCTGTGGTGGTT
CCTGCTCCTGATTCCGATCAATCAAACAGTCTTCACAATGTTTTCTGTCTATGGAACCCCTTATCAGATGACGTC
CTTCGTGTTCTTCTGAAGCGCATTCTCAATCGTCTTCTGCTGTTCTCCATGGCTATCAGAGATTTAGCATTAGA
GGACGTTTGTATCCGGCTATATTGCCTGTTGCGGATAAGAGAGTTACTGGAAAGGTTCTCTTTGACATCACGA
AACCAGAACTGGATATTTTGGATAGACTTGAAGCAGATGAATATGAAAGAAGGGTTATCGAGATTTCTTGGT
GGATGGTTCCAAGAAATTACCTTCCCTTGCTTATGTTTGGAGGAACAACGTAGATCCAAACCTGTATGGAGAG
TGGAGTTTCGAGGAATGGAAAAAGTTGCGAAACGACGAGTTTGTAGAGATGGCTACTAGATTTGTGGAAGA
GTTGAAATTGGCTGAGCCGAAGTCGTCACTGGCGATTATGAATCATTCTACCATATTGAAGGAGGTGATAGC
ACTCTCATTACTTGATATCAAATAAGTGGTATCCTATGTTGAAGAATTTAAGTAATTGTTGCTCATCTTACTATC
TCATGGTCCATAAAAAAATTAATTACATAGCTTTGCTAAAAAGAAAAAAGCAGGTTTCAGTACTTTGTGTT
TAAGGGAAAAATTAAGTTACTCTCTAGTAAAAAGAAAAACAAACAGAAGTTGTGTATAAATTATAATTGTG
TATGGGAATAAAATGGTAAATCTATAAACTTTTATTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_2710 BT026341|Arabidopsis thaliana At5g46230 gene, complete cds

ACCGAATCAAAACCTCAGAAGAAAATGACGACGCAACTTGC GACTCGCACAGCCGACGCGGAGATCTACAAC
GGCGACGCTATCTGCAAGCAAAAGTCTCAAGAACTTCTTGATCAATTCTTCTTCCCCGCGGCCTTCTCCCTTTA
GACGACATCCTTGAGGTCGGCTACAATCGAACCTCCGGTTTTCATTTGGCTCAAGCAGCAGAAGAAAAAAGAG
CACCGGTTCCCCGCCATTGGACGCACTGTCTGTACGACACTGAGGTTACTGCCTTCATCGAGGAGCGCCGCT
TCCGCCGTCTCACTGGAGTTAAGAGCAAGGAGTTTTTCTTTTGGATTACCGTTTCTGATATTTATATTGACGAA
CAGAACACGAGTAAGATCACCTTCGGTACTTCGACTGGAATTGCCAAGTCCTTCCCGGTCTCTGCGTTTCTGAT
TGAAGAAGAACTGATCGGAAGAAGTGATTGAACAAAAGGATCGGTGAGTTCTTCGTAATTCTGAGTCAATT
CGGGTATGGATACATTCAACATGAATAATTTGATGATGTATGATGAATAGAGAATAAACTGACTTAAACTAG
GGCATAATTATCCTGCTTATTGTAGTTCAAACAATCTGAATTCGGTTGGAGGAAAATGAAATTACAGATGTCTT
CGTTATAGAAGTAGAAATTACTCTCCGACTTTGGGTCTGAATTAATCTCAATTGTAACTCCATGTACTTTGTT
GTGAAATATACCATTGTTAATCGATTACCTAATCGAACCGATCATCAAATTGATTATCGTGCAGAATTGGTAG
AGATACGGAAATTTTATAATTTTGAAATAATCTTGTGAATGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2711 AM231406|Solanum tuberosum mRNA for exp1 protein (exp1 gene)

GGCTCCGGAAAGCCTTCCAATTATGGCGACGGTGAGAGTCTTCGTAACAATGCCGATGAAGCTTCTGCTGCT
GTTGCTAATGGTTCTGATACTTGTGTTCACTCTGAAGCTGCAAATACGAACAATGTATACCAACCTTGTGCGG
ACACTAAGATTACAGAGATCCGATGGATTACCTTCGGAATCGCATTCTTCCAGAGACTCTTCTTCTCTAACC
AGTCTCATCAGCTCTCCCCGTGTGACCGTCGTCTTCTCTTGCCTCGCTTAACCTCACAGCTGGCAGTTTTTAGAC
CTAGAGTAGACCAGATCTCACTTCTCTCATCAATACTTCCGATTTCTTCCGGATGCTTTTGATGGTTACATGG
TGGCTTTTGCCGGAAGAAAATACGCTGCAAGGTCTCAGCCTGCATTGCTCGCTAATAACACATTCATAGTGAC
GAGTTTCACCCTGGTACTCGAGTTTCAAAGGGCAGGCTGCAGAACTTGTACTGGAAACGAGATGGATGTGC
TTCATGCTCAGGTAAGTCGAGATCTAGTTATGTCTGCCTTAATAATCAGGATTGTGCCATTAGAACATCGAGTT
GTAGAAACCGAGGGGGCAATGTGGATTGTAGTCTGGGAATACAGCTTACGTTTTTCAGGCACGGATAAGCATC
TTGCAGCGCTGAACTCCTGGTATGAAGTAAAAAATCTTCGACAATATTCCCTATATAGTGTGTATTCAAATCTC
AGGGATTCTCTTACCAGCCAGTACAACAGGTTCTTCTAATTACTTATTCATCATACTCCCCCAAGGTCTGTTGT
TTTATAACTTCTATACATTATACTGGTTATCATGGTCTCCCTTCTTGGCTTTGTTATACATCCCTTTT

>trans_s_2712 XM_002876350|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata eukaryotic rpb5 RNA polymerase subunit family protein, mRNA

ATTTCTAAAGCAAGAAAAAAGAAGGAGACGCTGTACGCTCTATTATAGGAGAGAGGGAGCGAAAATGGAG
GAAGATGGGTTTGAAGCAGAGCCGAATCCTGTGGAGTTCGGCACTTGCTTGAGTTCCTACATCGATGATGGA
ACCACTGAGAGCCACAGATACTTCCTTTCTCGAAGAACAGTTGTGGAGATGCTTAAGGACCGAGGTTACACTA
TCAACTCCCCGATATCGACCTCTCTCTTCAACAATTCCGAGATATTTTTGGCCAATACCCCGACGTTGATCGCC
TAAACTATACGCCGCTCATCACTCCGATCCCTCCAAAAGAGTTCTTGAGTATTCTGTGGAAGTGGTGCAGTA
AAAGTTAATGCTATTGCAATATTGCTGGCCAAATTGCTAATAAGGACAGTTTGCATGGTCTTATTTAATTGT
GCAAAATCAAATTACAAACCAAGCCATGAAAGCAGTTGAGCTTTTCTCGTTTAAGGTTGAAATATTCCAGATTA
CTGACTTGCTCGTCAACATCACAAAGCATGCTTTAAAGCCGAACCATCAAGTACTAACGGAGGAAGAAAAACA
AAAGCTTTTGAAACAATACAGTATAGAGGAAAAACAGCTTCCTCGTATGTTACGTACGGATGCTATCGCTCGA
TATTATGGACTGGAGAAAGGGCAAGTTGTGAAAGTGAAGTACGATGGTGATATGACCAAGTGCACACGTAAGT
TACCGTTGTGTTTGGTGATGGACCTATAGACACAGGTTTCACCAATCAACTTTTCAATTTCTTCCCCAGAAAAA
TCAGATTAGTTTTTGTCTTAACTTCTATGTTCCAGAAGTCTTGTATTAAATAGGGTTTCGAGTGCAGATT

>trans_s_2713 AF139499|Prunus armeniaca p85RF mRNA, complete cds

ATTCCCTTTCTTCTTCTACGGTTAGGGTTTCTAATCCCCTTTCTTTTCTTTCCAATTTTTTGCATCTTTTTTTTTT
TTTCTTGCTTTCTCTTAATTTTATTCCTTTTTTCTTTTTCTTTTTTAATTTCTCCTTTGAATTAACACATGGGTTTTG
CTTGACGCCAATTCCATCTTGAAGATCGGTCAAAAACCTTGTTTTTAAGGGTTAAAGGGGAGATTGATAAG
ATGGAACATGACGAGGCAAGCTGTCAAGCTCCCCCTGAGGGTCCCTTTCTATGCATCAACAAGTGGCTTCTT
CGGAAGTGCAGCTACTACGAATATGTGTTCTAAGTGCCACAAGGACTTGATGTTGAAACAAGAACAGGCTAA
ACTCAGTGCTTCGACCTTTGGAAGTATCATGAATGGATCATCTAGTTCTAACCAAAATGAAACCTTTGCCACCG
CAAGTGTGGATGATCCAGTTAGCTTGGTGGAGCCTAAAATCACGTCAATGCAGGCATCCCCGTGGTTATTTT
TGATGAGAACAGTGGAGCGAAGCCAAAGGACAGGCCTAGACGTTGCAATAGTTGCAACAAGCGAGTTGGAT
TAATGGGATTTGACTGTGTTGTGGTAACATCTTCTGCGCCATTATCGTTACTCTGACAAACACAATTGCCCT
TTGATTACCGCACTTCTGCACAGGATGCAATTGCTAAAGCCAACCCGATTGTGAAGGCAGAGAAGCTTGATAA
GATCTAAGTGAAAATCAGGCCAAAGGCGGGCTGGACCCCTTATAATGTGTTGATCTTTGTCGTCGTCATCGCC
TAGATGATTTCTGCTTTGCTGCATGCATATCTTGTAACCTGTTGTGTATTGNTATATTTGGAGG

>trans_s_2714 BT000025|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g76600) mRNA, complete cds

ACTCCACCAACAACCTCCATCTCTCCATCTCCCTCGTAATAAGGGTCGTCGTCATCGTATTTCTCCCCTCTTTGA
TCTTGATAGCCCCAACGACCAACAACACGAACACGAACACGAACACGACCCCTCTCCATTAAGTCCAACT
CCAAGAACAACACCGCCTCCTCCTCCTCCGTTAAAAAATTGCAGAGATTGACATCCAGAAGGGCAAAAATGGC
AGTTCGTTCTTCAAACCTCAGATTGAGCACCATCTATGAAGGCACCGATCTGTAGTCGTAGGGAATAGGGATT
ACTTCATCCACCGGTTTGACGAGGACGGTTTCGGTAGGAGGGGTTTAAATTATCTTAAGTCTTCCCAGTTCAA
TTCATGATCCATCTGATTCCAAGTCCCATTTGATGACATTGGTAAGTCTTTGTGCGTTTCGGATACACACATAAC
ATAAGTAGGGGCGCCGGATCTATTTAGGGTTCGAGGCACGTCCGTTCTACATTTGTATATATTACTGTTTATCA
TATACATCCATCAAATAACATACATGGAATGAACGGTTGAAGTTCTAGTCATGCCATTAAATTCAAAATACAAT
GTGAATGTGGCGAAGAATAATTCAGAAATTTGAAGTGGCGCAGCCAAAACCGACGGACCCCGAAGACCATGGC
ATCTGCCACTTTGTTTACCAGAACATACAATATCTTCTTTCTTCTTTTCTGTTCCGTTTGGTTCAACTCGTTT
CCAATTCCTAGTTGCATCTGTGTAATTTTTCAGATAATTACTACAAAATATTTATTTATTTATTTTAAATTAAC
ACGGAAATGCAATAATTAAGTACTGTCTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2715 BT005846|Arabidopsis thaliana At2g03350 gene, complete cds

AGAACATAGAAGCGCCACAATTCCACATTTTGACAGTGGCGTCTTTGTCTTCTCCCAAGTTGCTTCGGATTTAT
ATGGGTGTGGCTCTCGTTTTCTCCATTACTCCCATTTCCACATTTTCTTCTTGTCCGCCGACCTCTAGACGAAGT

TTAACGCCGGTTCAATCTTCAAAAATGGAGAAGGCTTTGACTAAAGTGGGCAGCTTAAAGGTTGGGAGCTTGT
GGATTTCAAAGAAAGCCAAGGAGGAACTCGCTAACATCACTGATGATTTCAATACTTTCTCAAATACTGTTGA
AGAGAAGGCAAAGTGGATTTTCAACAAGCTAAAAGGAAAACCATGAAGAGCTTGCCGGATTTACTTCGCGA
GTACAACCTTACCGCCCGCCTCTTTCCTCAGAACATGACCTGCTACGAATTTGATGAATCAAAGTCCAAGCTGA
TTGTATACTTACCATCCGCTTGAGATTAGTTTCAAGGATTCTCTGTAGTCAGATATGCAACACGGGTGAAA
GGAACCTCTCAGAGAGGAAAGCTTACAAACATCGAAGGAATGAAGACAAAAGTCCTAGTGTGGGTGAAGGT
GACAAGTGTGTGAGTTGAGGGCTACAAATCTGATAAGGTCTGGTTCACAGCAGGAGTGAAGAAATCGAGATC
AAAAGATGCATATGAAAAGCCCCATGACGCCATTAGGGTAGGCGAATTCTAATATTCAAATATGGCACATTG
TTAGATAACATTAAGGAAGCAGGTAAATGAATCCTGTAATCACATCAGCTGCATTGTTCCATTTGCATTGTGCGA
AATATAGAAATCTGAATGTGTTGTCCCTTTATAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_2716 AY535423|Solanum lycopersicum WAK-like kinase mRNA, complete cds

TATACGAGTTTATTCCCAATGGAACCTCTCTCAACATCTTCAGAGAGAGCGTGGAATGGACTCCCATGGAC
AACACGGCTCACTATAGCAGCCGAACTTCTCGTGCAATAGCATACCTTCATTCTTCTGTGCACCCACCAATAC
ATCAGAGACATCAAATCGAGCAATATACTTCTGGATCATGGTTTCAAATCAAAAGTTGCAGATTTTGGTCTT
TCTAGACTTGGTATGACAGAAATATCTCACATCTCAACAGCTCCCCAAGGAACCCAGGCTACGTTGATCCACA
ATACCATCAAAATTTTTATCTTTCTCACAAAAGTGACGTATATAGTTTTGGAGTAGTCCTAGTAGAGATAATAA
CAGCATTGAAAGTGGTTGATTTCACTCGTCCCCAAAGTGAAGTAACTTAGCTGCACTTGCCATTGATAGGATT
GGTAGAACTCTGTGGATGAACTAATCGATCCTTTCTCGAGCCACATAGAGATGCTTGGACCCTCTACTCTAT
TCACAAGGTGGCTGAGCTTGCAATCAGATGCCTTGCTTTCACAGCGACATGAGGCCTTCGATGACAGAAGTA
GCAGAGGAATCGGAAAGCATCAGACGCAGTGGATGGACATCAATGGAGGAGCATTTTTGTGCAGCATCATCA
GCAGGATCAGCTTGTTTCATCTCCTCGTAGTGTAAGCGAGAGATCCATAAGTAGTAGCATAACAATTAAGAAGA
CCGGGCTGCTTGCAAGGACTGGGGAGCCAGAGATTGATAATCCACCGGAGAACCAACCATAGTAAGGACTATC
TACCTCCTGTTGAGGAGGTTATGGATAGTTCCCCAGTTTCAATACAGGATCCTTGGTTAAGTGAACATCTCGT

>trans_s_2717 NM_120425|Arabidopsis thaliana CDC25; arsenate reductase/ protein tyrosine
phosphatase (CDC25) mRNA, complete cds

ACATAGTAATTAATCTAATCCATTGAAGGATTACAAAGTCAAATTCCGGCCGTGAGTTCATTTTGAGCTTCACA
TACCATCCATCAAAGGACTTTCAATCCGATTGATCAGCAGCAAAAGATCATTCAATCTCCATTCGTCGGCCAGA
GAAAGACGAAGAAGAAGGAATCAATACCAATATGTCTCGAAACATTTTCATACATAACTGGCACTCAGCTTCTC
TCCTTCAAACGCCGCCAAATGTCGCCATCATCGACGTTAGGGACGACGAGAGGAGTTACGATGGCCATATT
GCTGGATCTCCGCACTTCGCTAGTGACAGTTTCTCTGATAAGACCTCTAAGCTTGTCCAAGAAGTGAAAGGGA
AGGATACGCTTGTTTTCACTGCGCTCTTAGCCAGTTCTGTGGCCCAAGTTGCGCAAGGAAGCTTGCCAACTA
TCTGGAGGGGATTAAGGAGGATGGTGGAATAAAAAACATATGTGTTCTTGAACGCGGCTTCAACGGATGGG
AAGCATCTGGCCAACCCATTTGTGCTGCAACAACGTGCCTTGCAAGGAGGGGATGTAGGATTCAGAAAATTC
ATCAAACATCACCATAGTTTTGAAGAAGATTAAGGAGGGGATATGGTATGATATTGTTAAAAGAATTTTATTT
CATAAATATGTGGAATGCTAAAGTTGCATTGTATATGTATCCACTTCTGATCAACATGGCTATTATTGTTATTAA
GTTGGTGAACCCAGGGATTCGTTTCTGCCAAGTCAGATAAGATATTTCCAGGATCCTTTTGCTACCATGTTAGG
ATACTTCCTAACAAAGAATTGATATATGAATTAATGAAAGAACTATCCTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_2718 DQ372574|Gossypium hirsutum short chain alcohol dehydrogenase mRNA,
complete cds

ATCTCATTAACCCACAAAACCAGAACTTCTGTCTTCTTCATTTGTTTCATTTTGTCCACTTTGATCCAAAAAGTA
AATGAGTTCCAATGGGGTTTCTTCATCCATCTCCAAGAGATTGGCCGGAAAAAGTGGCTTTGATAACCGGCGGA
GCAAGTGGAAATCGGTGAGTCGACGGTGAGGCTTTTCGTGGAGAATGGAGCCAAAGTGGTGGTTGCCGATGT
CCAGGATGACCTTGGCGCTGTTCTCTGCAAAGAGCTTGACGACGGCACTGGGTATAACGTTTCCTATTTCCATT
GTGATGTCACCGATGAATCTGATATCTCGAATGCAGTTGACTACGCTGTCGAAAAGTATGGAAAGCTCGACAT
CATGTTCAACAATGCTGGCATTCTGTTGGTGATGTAGGCGCCACGACGTTGACCACAGACATGAATGACTTCAAG
AAAGTCTTTGATGTCAACGTGTTTCGGTAGTTTCATGGGAGCTAAACATGCCGCCAGAGTGATGGCTCCAGCGA
AGACAGGGTGCAATTCTTTTACGTCAAGCATGGCATCGGTGATATGTAGTGGTAACGCACCGGCATATGCAGC
GTCGAAGCACGCAATCATAGGACTGATGAAGACGCTAGCTGTGGAATTGGGGCCAAAGGGGATTAGAGTGA
ACGCGATATCACCGTACGCGACAGTGACGCCGATGCTGGTACCGTCAAGAACGTGGAGGAGAAGAAGGCA
ATGGAGGCCCTTCATTTGTTATCAGGGAACCTGCAAGGGGCAGTAATGGAGGCTGAAGATGTAGCCAAAGCA
GCTCTATATTTAGCAAGTGATGAAGTCCAAATATGTGAGTGGATTGAATTTGGTGGTTGATGGTGGCTTTAGT
CTTACTA

>trans_s_2719 BT002661|Arabidopsis thaliana At3g07470/F21O3_18 gene, complete cds

TCTCCTCCTCCTCCATCTTCTTCTTCTTCACTCCTACTCTCGAATCTCCTTTCTAATTCTAAAACCCTACTTCTT
CCATTTCTCTTTCTTTTTCATCTCTCCACAGCTATGTTTCCCCCTTCTTCATGCCCTTCTCTGGTTCTCTTTCCTA
TATTTCACTTCTTCATTGGCGGATCCTCATTCTCTTAACCTACTTCTACTCACCTTCCAACCTCATTACGATGTTCT
CTTGGCTCATGGCCTCCCTAAAGGCTTACTCCCAAAGGGTGTCAAGGATTACGAATTCGATGTGCGATACTGGA
AGATTTCTCGTCTTTTGGATCGGGAATGTAATGCGATGTTGAGAATCAACTGCATTATGAGACTAATGTTTC
TGGGACTTTGAGTTATGGTAAGATCGGTGCCTTATCTGGGATTTCAAGCGCAGGATCTCTTCTGTGGTTTCCTG
TTAAAGGGATTCTGTGTTGACGTTCTAGCTCTGGCGTTATTTATTTGATGTTGGTGTGTTTTCAAGCAATTCT
CTCAGTCTCTCTCGAAACCCACCTGTTTGTGTCCCTAATACCAAGAGTCAACACAGGAAGATTGGGAATGG
GAATCAATTTGTGAAAATGGCTTGAAATAGCCATTGAAACAATAGGTGGGGAAAAAAGAAAAAGAAAAA
AAGGCTCAAAGGGGGAGGAATCTCTATTGGGTGGTAATGAATCTTCATTGTATATGTCATCAAAGCATATATT
ATTTAGCATCTGCTATATGGTTCTTTACACTATGTGTGCTTGAAATTTCTTATCATCATCAATGGGAGCAGAGTC
AGAATCTGGGAATTTGTTGAGCGACTTCTGGGTTTGTGTGAGGAAAAGAATATGAANGG

>trans_s_2720 NM_120131|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing
protein / copper chaperone (CCH)-related (AT4G39700) mRNA, complete cds

AGCTCTGTTTCCTTTGATATAACCATCTCAAACCAGAGCAAGAGAAAGAGAAAGCAGCCTTTGTTTCTAACGC
CCTTTTCTTTGCTCGTTTGCTTGAAGAGAAGGTAAAGAGAAAGATCCATCATTTCTACCCAAAGTTACGTTGCC
ATTTCTTTCTACAGCTCTGGTTTTTGTCTCTGTGAGCTTCTGTTGTACCTTTCCCTTTTCAACTACATCGATTA
GAGTGAAAAATGGGTGTTGGTGGGACTTTGGAGTACTTGTGAGATTTGGTGGGTAATACCCACAAACACAAG
AAGAAGAAACAGCTTCAGACTGTGGAGTTGAAAGTCAGAATGGACTGTGATGGCTGTGAACCTAAGGTCAAG
AATGCCCTCTCTTCACTCAGTGGGGTGAATCTGTGGAGATAAACAGGAAGCAACAGAAAGTGACAGTTACA
GGGTATGTTGAAGCAAGCAAGGTACTGAAGAAGGCAAAGTCTACAGGGAAAAAGGCTGAGATATGGCCATA
TGTTCCCTACAGCTTAGTGTACAGCCTTACATTGCTCAGGCTTATGATAAGAAGGCACCAACAGGGTATGTAA
GAAATGTGGAGCAAACCTGCCACCACTGCTTCTGTTACCAATATGAAGATCCTTACATCAACATGTTCAGTGAT
GACAACCCAAATGCTTGCTCTATCATGTAATCTTTGCAGCCAAAACAAGTCTCCTGTTTGTACCTCTCTCTAT
ATCTCTCTTCTGCTAAATTTTGTCAAACAGCTCAATAATTATGGTAATGATATATATTACTGTGTGTTCAATCAT
TTGTGAAGAAGAAAGGGTCAACTATATGGATGAGTAATTAGGATATTTGGGGTTGTTAGTTGTTAATAGC

>trans_s_2721 AF112863|Nicotiana tabacum syntaxin-related protein Nt-syr1 (Nt-Syr1) mRNA,
complete cds

AAAGAATGAGCCCTGTTCACTGGCTTTTCGATGTCGTCAAGTTTCTCGCCTTGTTCTGTCACCAAACTGCCAT
GTCCATGAAAACCTGGTGCAGCTCCTTGAGGTTCTTTCCAGGTCTTTCACAGCATCATGCCTCTCCTGGATCTC
ACTAATGGTGTCTAAGATTCTGCCTCTGCCTTGTTCTTGAATGGCTTTCTGCAAGAATGTCTCACTTTACCTGT
AGATATCAAGACATCAATGGTTTTCTCGTCCGGATTTTACCAGTAACAGTGTAAATATCTTCGCTGAACGGTCT
CCCTGTACTCAGAGGAGATCTGTTGCCTAAGATTGTTAAACTCTCCATAGAATCCTGCAACTTCTTCCTCAAAC
CGTTGACTACAGAAGTCCGAGTCCGATCAGAAGAGGAACCAGGACCACAACCAGGGAGGCTCCGGTTGGCA
GCATTGGAGCGATCAAGAGCCTCCAATCGGACCTTGATGAGTTTAGCCTTCTTAAGAGCAAGGGAAACATCA
GAATCCATGCGAGATCGGAGGTCCTTGACAGTCTTAGCATTGTGAAGGGTCTTGCTCTGTTTCATGGGAGTCAT
GAAGGTTGGAGTAAAGTCGTTCAAGCTCCTTGAGCTCGTCTTTAACAGACTCAACATCTTCAAAGAACTTGTCG
AGATTAAACAGCAGTGGGGGAAGAGGAGGCGTTGTTGCCATTTCAACGACATGGGTGTGCGGGGAAAAGGA
GCGAGAGGAGAATAAATCGTTCATTGGTGAAAACCCAGAAGAGAAAATGGAGAATGGAGAATGGAGAAATG
GGTTGGTTGAGAAACAGAGGAAATGAAGAACCTAGAAGAGGGATTTGATGGGTTTTATGAGAAAAGTGGTC
AAAT

>trans_s_2722 AB518868|Triticum aestivum mRNA for 27k protein, partial cds

AAAGCGAAAAATAACGAGAGTTCATATGTAATGTAGAGATTCTCATGGAGGAGAGTTAGATTCTTTTTTTT
TTCTTTTTTCTTTTTTCTATTTAGTAAAGAATCTGTGTAATGTAATCAATGGAGTCTCCCCCTAAACTCTGTTCT
TCCTTTACATTTCTTATCTCATTCTCTTCTCTCCCTTCTCTTCTTCTTTCATCTGCTTCAACCTCCAATTATG
GCACCCACAAAGTCTCCCTCAAACCTATTATGAGTCGCTTTGTCCTTACAGCGCCAATTTTCATCGTCAACTATC
TGGTTAAGCTTTTTGATGACGATCTCATCTCCATAGTTGATCTCAGCCTCGTTCTTATGGCAACGCAAGGGTT
GGCCGCAATGATTCCATCACTTGTGAGCATGGCCCTAATGAATGCCTATTGAACACTGTGGAAGCCTGTGCCA
TTAACGCCTGGCCTGAGCTGGATGGACATTTTCTTTTCATCTATTGTGTCGAGTATCTGGTGTACAAACGGAAG
TACACCCAGTGGGAGTCATGTTTTGAGAAGTTGGGGTTGAATCCCAAGCCCATCAGTGATTGCTACAAAACCG
AGCTCGGGAAAAAGCTTGAACCTGGAATATGCAGCTGAGACCGATAACCTTCAGCCTCTCACAATAACGTGCC
TTGGGTTGTTGTAGATGGGCAGCCACTATATGAGGATTATGAAAACCTCATAAATTACATATGTGAGGCGTAT
AAAGGACCTGTTGAGCCCACTGCTTGTAAGCTTCATCCATTAGTGTCATTTGAAGATAAGAAGCATAGTTTA
GCCTCCAGATAACACCAAGATGACTGATAAAGTTTGTTGATTTAATCCGCAAGAAAGCGGTGGA

>trans_s_2723 GU984022|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY23) mRNA, complete cds

ATGAATAGCATAAACCAACAATAAATACTCGCTGGGGGATCTTCTGACAACAGAACCAATAATTCGCCA
TGGAAGTTCCTAAATTCAAGTCTTCAACCTCCTCCATTTCCCATGTCTCCTTCTTACCTTTCTCTTTCTCT
TCTGGTTTAAGCCCCACTGAGATTCTAAATTCCCCTCTTCTTTTCTTTGGTGTTTTCCATCTCCTACTACCG
GTGCTTTAAATTTGAGAAATGATTATGAGGAGGTTGACCAACAAGAAATGAAGGGAGATGTTAAAAATTACT
CTGTTTCTGCGTATAACCCACAAACCGGATCCTCTCTTTCGTCTTATTTTCAGTCCTCTTCTTCAACGTGACTCT
ACTGAATCCAAGCGGTTTGTCTGTGATGAAAGTGGGGCTAAATCAGAATTTGTTAACACAGAAATGGCGGC
AGCTGAATCAAAGCAAAATTCTCAGTTAGCAATTTACAACAGAGAACAACAAAATCAGAGAACGATGGATA
TAATTGGAGAAAATATGGGCAAAAACAAGTGAAAGGAAGCGAAAATCCACGAAGCTATTACAAGTGCACGTT
TCCAAGTTGCCCAACAAAGAAAAAAGTTGAAAGATCATTAGATGGCCAAATTACCGAGATTGTTTATAAGGGA
ACCCATAATCACGCCAAGCCTCAGCCGACAAGACGTTCCGGTAACTCCGGCGTTTACGATCCATCGGCGGCGG
AAAGCGGGGTATTGCAGGAGGATTGTTCCGTCTCGGTGGGGGAGGAGGAAATCGAACCCAATTCGCCGTTT
AGCAACTCGATTGAGGAGAATGAAAAAGGAACGGAAGCTAAGAGATGGTGAGTGAATTAATTTACTGAAATT

>trans_s_2724 AY105755|Zea mays PC0073425 mRNA sequence

AGTTCATAGGTATTTTAAACAAAATACGACCCAATTCCATCAACAACATATATCTTTAAACCTTTCAAAAGATTG
CAGATCGTCTTCTCCGTCAATTCTCAAACCTTTCACGCTTCAGCTGCACCGATAACTCCTTCCGGGAAGCGTTTG
TAACAGATCGAGAAACCTTCGATTGCGAATCCAAGAACGTACACGCCTGAACTTGGATTCTGTTTCGTCCCGA
GAGAGTCATGAACGCGAGAAGGGAACTCCGCAACAATAGAGTTGCTCTCTTGATGGCATTGAGGAGGGTG
GTGTTAGGGCCTCACCTTCTACACCTCCCATGAAATTGAGGAGCATGATAATGAAGCAGCATTGGAAGGCTT
GCAAGACAGAGTCCTCTGTTGAAGAGGTTGACAGGTGACATAAATGAGGAGGTGGAGAGTCACAACCGCA
TGCTTGATAGGATGGGTAATGATATGGATTCAAGGGGAGTGTTGTCGGGCACTATGGATCGATTCAAGA
CGGTATTTGATCCCAAGTCGAGGCCGAAGATGTTCTACTAGTCGCACTTTTCGTGACAATTTCTTCATCGTG
TACTATCTCACAAGGTAATCCCTCCTCCATATGGGTATGGAAGAAGCTCGAGCTTGCCTAGAAGACGATGAAT
CACTTTTGGCGCTTAGATCTATCAGTATTGTTACTTGTTAAGTTGGGATAGATGTTCCGTTGATGGTTTGTGTG
AATATGTTTTCTGTACCAAATTAAGTTGAATGAGTTGAAACCAAATATCATCTGCTGCTCGCCATTAGCTG
ATATTGTTGATGGTGAGAGATATATAATCAGCAAACAGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2725 NM_100197|Arabidopsis thaliana GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family
protein (AT1G03150) mRNA, complete cds

TTTGTTGTTCTTGTCAAAAACAGAGCATACAAACACAGAGCGATAGCAAAAGCTATGACGACGTTGCGAAGAT
TTTGCTGCAATGATCTACTTCGTTTCACTTCCGTCAATCTCGATCACCTCACAGAAACCTTCAATATGTCCTTCTA
TATGACCTACTTGGCAAGATGGCCTGATTACTTCCATGTCGCGGAGGCCCTGGGAACCGCATAATGGGTTAC
ATCATGGGAAAGGTTGAGGGGCAAGGCGAGTCATGGCATGGTCATGTAAGTCTGTGAGTGTGCTCCAGAA
TATCGCAGGCAACAATTGGCCAAGAAGCTTATGAACCTGCTTGAGGATATTAGCGACAAAGTTGATAAAGCCT
ATTTTGTGATCTGTTTGTGAGGGCATCGAACACCACTGCAATCAAGATGTATGAGAAGCTTGACTATGTTATC
TATCGGCGCGTGCTTCGTTATTATTCAGGGGAGGAAGATGGATTAGATATGAGGAAAGCATTATCGCGGGAT
GTTGATAAAAAGTCCATCATTCCGCTAAAAGGCCAGTGACTCCTGATGAACTAGAATACGATTAAGTCAAGA
GAAATGAAGTATGATCATTGATGGAGAAGACATATCATGTACGCATGAGTTGATGATAGCTAGCAAGGTTAG
CAATCGTCATCTTGAAAAAAGGTGTTGTACTTGTATCCTAAATACGTTGTTTAACTTGTATAATTCAAATGAAA
AATCAAGTTAACTTTTTACTTCAACTATTTGATATAATAGCTTGTACTTAACTTGAAACTGTTGTTTCATCCAA
TTCTTTTCAATGATCACCTAATGTTTTTTGGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2726 AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

GATTGGTAGAATCCTTTCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGATCTCGTCCCCCATCAATTTCTTTGCAG
GAGCGATCCGGAGATTCAATTTTGCAATCATGTTGGTTTATCAGGACCTCGTTTCTGGTGACGAGCTTCTCTCG
GATTCGTTTCCATACAAGGAAATTGAGAATGGAATGATTTGGGAAGTTGAAGGAAAGTGGGTGCTTAAAGGA
GCAGTTGATGTGGATATTGGTGCTACAGAATCAGCTGAGAACAGCGGTGAAGATGAAGGTGTTGATGATCAG
GCTGTGAAGGTGGTCGACATTGTTGACACCTTCCGTCTTCAGGAGCAACCTTCCATGGACAAAAAGGTTTTCT
CTCATGCATCAAGAAGTATATCAAAAATTGACACCTTGTCTGCAAGGAGAGCAACAAGAGGCATTAAAGAAT
AAAATTGAGGGAGCAGTTAAGTACCTGCTTCAAAGGTCAAGGACTTGCAATTCTCGTTGGGGAGAGTATG
GCCGATGATAGCGCAATGGTATTTGCATACTACACTGAAGGAGCTACTGACCCAACATTCTTATACATTGCCCC
TGTTTTGAAGGAAGTCAAGTGCTGAAAGAACAAAACCTTTGGAGCAGAAATGCTTCATGTAGCATTATTAGTTTC
TACTATATTTGCCTTTTCTCATGACATTTGAATTTGGATGGTTTGGGCTGTTTTGTTTTGTTTATTTTGGGTT
TCCTTGTGTTTACCTTGTACTGGGAGCTTATGTTCTGGTGAGTGCAGAAGTTTATTTTATGCCTAATGAATC
TCTATTTTATAATGTCAAAGCGGATGGTTTTCTACTTTCTTCATTCAAAGTGGTCTTGGGGAACCTT

>trans_s_2727 X98474|Solanum tuberosum mRNA for brittle1 protein

>trans_s_2728 NM_125347|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein (AT5G59550) mRNA, complete cds

>trans s 2729 AJ427912|Spinacia oleracea partial mRNA for sigma factor (sig2 gene)

>trans s 2730 AY568717|Lycopersicon esculentum adenylyl-sulfate reductase mRNA, complete cds

CGGGTGGACTTTCCTCCAATCACAGCGCCCCACTTGGACAGCATCTCCAGCATTCCCCTCTTCCCTCAATTCCGT
CCCCCTTCATTCTTCCATCGTTTTATTTAATCTTCATCTTCCCTTCCCATTGTTTTGCCTCCGGACTTACAAACGAA
CCGAGAACCAAACACTGCAACTTCTTTGTTTGCTTTCATGGCGCTTCTGTTTCTTCTTCAATTTCTTCTT
CTTCTAATTTTACCATTTTGCCGATTCTCCTCTGAGCCTAAAGTTCGCGAATTGGTTCTGTTTCAGCTGCTGC
ATCGGCCACATGTTTTATCTTCTGGAGTAAATTATTCACAAATTAAGGATGCTCGGTGGTGAAGCCTAAGAA
CGCGCAATCCAAACGGAATGATTGCTTGTGCCGTTCTGTGGCGAACACTCTTGCTGCTGAGGTGGCAGAGAA
GACGGAGATTGTGGACTACGATGGATTAGCCAGAGACCTTGAAAATGCTTCCCCTCTGGAAATAATGGACCA
AGCTCTTGAGAAATTTGGTGACGATATTGCGATTGCTTTCAGTGGTGCGGAAGATGTTGCATTGATTGAATAT
GCTCGTTTGACTGGTCGACCATTAGAGTGTTTAGTCTAGACACAGGGAGGTTGAATTCAGAAACATACCAAT
TCTTTGATGCAGTGGAGAAACATTATGGCATTATATAGAGTATATGTTCCCTGATGCTGTTGAAGTTCAGGGT
TAGTAAGGAACAAAGGGCTGTTTTATTCTACGACGATGGCCACCAGGAGTGCTGCCGAGTAACGAAAGTG
AGGCCACTTAGGAGGGCTTTAAAGGGACTAAGAGCTTGATCACTGGACAAAGAAAGACCAATCTC

>trans_s_2731 NM_124368|Arabidopsis thaliana catalytic/ glucosylceramidase (AT5G49900)
mRNA, complete cds

ACTTGATCCAAAAGTAATGAGCAGCGGCTTCATCGTCAACCTCAGAAGCCAATGCAGAAGCCGCCTGAAGAG
CAGCCACCCACAAGCCACCGCAATATGCACTCACACCCTTACAGTCCAAGTATCATAAGTCTGATCAGGGAA
CCCCTCATTCTCAATCATCCCATCTTTATCCTTATCAAATTGCTCCATAAAAGCCAAGGCCACATACCCGAAGG
CCAAACAGATTTTGCAAAATTTGTGCCCTGTAGCAACCACATCCCTGTAAACCTGAAGAACGAATTTGGAAC
CCAAATCTTTCATCTGGTGACATTCAAAGGTTGTAAGCATTGACTTCAAACCAAGGATCGTTGAACCCAATA
TCATGAGGGACAGCTCCAAGAACTTTTCGAGGAACCCAATTTCCGTCGCTCATGATCTTGGCCTTTCTGGGATC
GTGCATGAGTACAGCCGCGCGAAATCCCTTTGAATGCTGAGCTCAAGTTTTGGGAAAAGCATGATGAGAGC
AAAAGAGGAGTAGAAATGGACATCGTAAGTGTTCCACATTAGGTATTGGCTTCCTTCGACAAGAAGTAAGTT
GCCGACGTTTTCTTACCAGGATGAAGAAGTCTGGTTCGAGTGCGGCGTTTGAGGGTCCGCGGCCACCGTC
AGTTTGATCGAAGATCTGAGACATTCTCTGAGTATGTGACGCGGACATCCTTGCGGTGGACGCCGTTGGGC
ACTCCTCCATTGGGCTCTGACTTTGATCTTTCGAGGAAGTACTTTTTATGACTAATGGTCGATAGGTTTTGTAG
GGGAGGTAAGCCGTCTGTCCAAATTGTTCCACCAGAATTTAGGAAATATAGCTCATTAATAGAGTTACCGTG
T

>trans_s_2732 U63374|Lycopersicon esculentum polygalacturonase isoenzyme 1 beta subunit
gene, complete cds

GCTACCTTCTCGAGCTCGAAGCTGGGGGTGATGAAGCAGATATTCCACGCTGGGGATAACTCTTCGATGGA
GACAATGATGACGGAGACTGTAAGAGAGTGCGAGAGGGTGCCAGCGCCGGGGAGACGAAGCGGTGCGTG
GGTTCGGTGGAAGATATGATAGACTTCGCGACGTCGGTGCTGGGGCGGAACGTGGTGGTCCGGACGACGGA
GAACACGAAGGGGTGCAAGGGGAACATAATGATTGGGAAGGTGAAAGGGATGAACGGAGGGAAGGTGAC
GGAGTCCGTGTCTTGCCATCAGAGTCTGTTCCCTTACCTACTCTACTACTGCCACTCCGTGCCCAAGGTTTCGAG
TGTACGAGGTGGATTTGCTGGATCCGGCCTCTAAAGCCACCATCAACCACGGAGTTGCTATCTGTCACCTGGA
CACCTCCGCTGGAGCCCCGCTCACGGGGCCTTCATAGCTCTCGGCTCCGCTCCCGGTGCGGTGCAAGTGTGC
CACTGGATCTTCGAGAACGACATGACGTGGACTGTAGCCGACTAATCGGAGGATGTGGCTCTTGACTTGAGA
GGTTAATTTTAAGGTAAATTGCTCCTTTGCTTTTCAATTGGATTTGCAAAATAGAGGTAAAAAACTATATATTTT
TTCTTTTTTTGCCTTACTTAATTTCCGAAAAAGGGTAAATGTGATTGTAATTCCTGGAAGAAATGAAAGGGAAT
TAGATGGGAGTTGAGTGGATTTGGTTGCCATTGCCAATTGCAAATTGGATCGGTGTATGCAAAGCTAGTAAAT
AAACCATAGAATGAAAAGTGTGAAAAGATGAGATGAGGTGGTCCTGTTTCTATATATATGCGCTGGGCCTAC
ATTTCTTTGTT

>trans_s_2733 FJ606761|Capsicum annuum xyloglucan-specific endoglucanase inhibitor protein mRNA, complete cds

TCATCTTCTCTGGTAACGGCCCGTACCATTTCTTACCCAACGTCGACTTAACAAAATCCCTCACTTATACCCAC
TCTTCATAAACCCCGTCAGCACCGCCGCGCTCTCCACCTCCGGGGAAAAATCATCGGAATATTTTCATCGGCGTT
AAATCCATCGTATTCAACTCTAAAACCGTCCCACTCAACACCACTCTTCTCAAGATCGACAGAAACGGAAACGG
CGGTACAAAAATCAGCACCATCCATCCATACACCGTACTGGAATCATCGATTTACAACGCGTTGGTGAAAACA
ATCACGACGGAGCTCCGGAACATTCCGCGAGTGGCGGCGGTGGCACCGTTTGGGGTTTGTATAAGTCAAAA
AGCTTTGGAAGTACTCGATTGGGGCCGGGTATGCCGTGCGATCGATTGATTTTACAACAAGAAAGTGATTGG
AGAATCTCCGGTGCGAACTCAATGGTACAGGTAAACGACGATGTATTGTGCTTGGGATTGTGTGACGGTGG
GTTGAAGCGAGAACGGCGATTGTGATCGGAGCCCACCAGATGGAGGATAATTTGCTTGAATTTGATTGGCA
ACTTCTAGACTTGGATTAGCTCAACTCTATTGGGACGGATGACTACTTGTGCTAATTTCAATTTACTTCAGCT
GCTTGATTAATTAATAAATCTTTTAACTCAAGTTTTCTATCAAATCAAATAAATGTTTTTACCACTACTTGTGTTG
AGGTTTTGTATTTTGAATTTTAATATTGAATAATTGAGGGTGAGGCTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2734 FJ906799|Gynostemma pentaphyllum squalene synthase mRNA, complete cds

ACGACTGAAAGGTGATTGTCATTTGAATTTGAGGCCTAAACATTTGTGTGAATTTCTTGAAAATACCCGTTTG
CCAATTTGTGAATTCACCATGATCCACCAGTTGAGGTCTCTCTCTCTTTCTTCAACTTCCTCATTCAATTTCTG
TCTTAAGAAACAAACCCACGTCTTTCACGTTTTTCTTATCAATCTCTGATTACATTACACCATCCTCAACAATTT
TTAGATTTTGATTTTGATTTTGATTTGCATAGTACCCAAAAGTCTTCATCTTCAAGCTTCGCTCCTTGTTGT
CTTCCTTATATCTGAAAACAACCTTCATTCATTTGTAGTCATCTGGGTTTGAATCATTCTCTCTTTTGTCTTA
TAGTGTGAATTTCTCGTCATCAATTGAAGAATAGGAAATCTCAGTTGAGGAATTGGGCATTTGTTGTGGGAGT
TGACCAGTCAAAGATCTGAAGCTCTGTGGATTTGAGAGCGAGAAATGGGGAGTTTGGGAGCGATTTTGAAAC
ACCCAGATGACTTTTATCCACTTTTGAAGTGAAGTGGCCGCTAGACATGCGGAAAAACAGATCCACCTGA
GTCTCATTGGGGATTCTGCTATACCATGCTGCATAAGGTCTCAACAAGTTTTGCACTCGTTATTGAGCAGCTTA
AGCCTGAGCTTCGCAATGCTGTGTGCATATTTTATCTTGTTCGCGAGCCCTCGACACTGTTGAGGATGATACA
AGCATACAAACAGACACTAAAGTGCCCATCTGAAAGCTTTTCACTGTACATTTATAACCGTGATTGGCACTT
TTCATGTGGCACAAAGGACTAAAAGATCTTATGGATGAGTTTCATCATGTTTCAACTG

>trans_s_2735 AF325002|Arabidopsis thaliana AT4g37020 (AT4g37020/C7A10_340) mRNA, complete cds

AAGGGCGCTGTGCTGTAGCGCAGCGACCATGGCAATCGATCCAATTGAAGCATTCTCGCCTCCCTCTCACTCA
TCTTCCATTTCACTCAACAGCGCCACTTCTATGTTGCCGTTGATAGGCTCCAGTTTAAGATGGAAACCTTAGT
GGGCTTGTTGGACGTGGCCGGTCGCCGTCCGTCGTTGCCGATGATTGTGTGTTGTAGTTCTCGTGACGAACTC
GATTCTGTCTGCTCCGCCGTCTCCAACCTCCAATACATCTCATTGGCCTCTTTGTACAGTGACCTTGCCGAAGCA
GACCGTGCACTGATTTTAGAGAAATTCGGCAAACAACATCAAGGTGGAGCCAAAAGTTCAGTTCTCTATCAG
AAGAAAAATGTGAGGGTGAGAAAGTTGGAGAAAAATCTCACATGATTGTAGTAACAGACGCCTGCCTTCAC
TTCTTGCTTCTGGGGAGTCGCCTCTTTCTGCCCATGTTTTGATAAATTATGAGATACCAACAAAGAAGGAAACA
TATATGAGGCGCATGACTACCTGCTCGGCCTCAGATGGGATCTTGATCAACATGGTTGTTGGAGGAGAAGTG
GTAATCTCAAAAGCATTGAAGAAAATAGTGGCCTTGTTATTGCTGAGATGCCATTAATTTCTGAAATTTT
GTAAGGATGTCGGCTACAGTGGAACATCTAAGGACAACACAGAAGGTTTGATTAGAAGGTGTTTTACCCCTAC
CAACTGATCATTGTCAATGATAACTTACGTTGGTTGATCTGTACTTGAGAGAATTTTCCAGTCTATTGAACAGG
GGGCTATTTATTGAGAGAATGGAATGCTGAGATAATTTGGTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2736 AJ007588|Arabidopsis thaliana mRNA for monooxygenase 2

TTTTTTTTTTTTCTCTATAAATCCAAACAGAGCAACTTCTAATTCCCAATCATTTCTGAATCATCCACACAATT
GAATTGTTTACTCTGCCGGAATCATGGAAGAAAAAGGTGATGTTGAAGAGATAGTGATCGTCGGAGCTGGAA
TCTCAGGTCTCGCCACTGCCTTGGGGCTTCACAGGTTAGGGATTCTGAAGCTTAGTATTGGAACTTCCGATTCT
TTGAGAGCCGCTGGTTATGCTTTGACTACATGGAATAACGCTTGGAAGGCTCTCGATGCCTTGGGAGTCGCCG
ATTCTCTCCGCCTCCGCCACGATCGCCTCGCCGAAACGTCACTTTCTCGGCGGTTTCCGGGAAGCCAACCTCG
AATTTGCTCTTTACGGGTCAACGAGACCAAGAAGCCAGAACTCTAATGAGAAAGTCATTACTAGAAGCACTGG
CAGTGGATCTTCCAAAAGACACGATTAAATATTCTCAAAGCTCGTTTCCATTGAAGAAGAAGCAGCAGGCTT
TCTTAAGCTCCTGCATCTTGCTGATGGAACGATTCTCAAACCAAGGTGTTGATTGGATGTGATGGAGTGAAC
TCTGTGGTGGCTAAGTGGCTTGGCTTGAAGAAGCCTTCTTTGTCAGGAAGAAACGCTACCAGAGGGATCGTA
ACATACAACGATGGTCATGGATTGATAATAAGTTCATGTGGTTCTTTAGCAAAGGCCTTCGCTTTGGTGTAT
GCCATGTAACCTCAACACTGTTTATTGGTTTGCCACTTGGTGTCTTCCAAACAAGAGGAGGAGATTGAAGAG
AACCCAACAAAATTGAAGTAACATATTTTGAAGCAAGCTTGAAAGGTACCTGATNCAAGCAGGGCTGTTGTT

>trans_s_2737 AB264310|Glycine max GmJ1 mRNA for DnaJ-like protein, complete cds

ATAGACGGAGAAAAACAGAGAGAAATGCAGTGTTCCGATTTCACCTTTTCAGGGAGCGATTACGCTTCTACA
TCCCTTCTAACCTACCATTTCGCCCCGCCACCAATTTCCGGCTACCGATCTCGGGTTTTCTTTCCCCACACTCC
GCCATTCAATTCGACGCGCTTGCCGTCTCTTCAATTCGAGCCAAGGCCTCGTTCAACGAAGGATTCTGTTTCT
CCGAGGTCGCCGAAGGCTCCTTCTACGATTGCTCGGCATATCTCAGTCCGGATCCTTGGCGGAAATCAAGCG
CGCGTACAAGCAGCTCGCTCGGAAGTATCATCCGGACGTTTACC GCCAGGCGGTGCGGAGGAATATACGAA
GATGTTTATTCGTGTTCAGGAGGCCTATGAAACATTATCAGATCCGAGGAGGAGAGCGCTGTATGATAGAGA
TATGATTGGAGGGCTTCAAGTCGCGTTCTCTGCTAGGAGACGATACGACGCCGCTGAGGAAGTTGCGGAGAA
AAGTGGATGGAGAAACAGTTGGGAAGCTCAGATTTCCGAATTGAAGAGAAGAAGTATGGAGAAGGATTGGA
GACAAAATATGTCATGGGGAGCTCGAATGCGCCGGCAAATGAATGAACAAATCTGATGGAAATGGAATTATT
ATACATATCAAGGAAAACCCATGTTTGACTCAGAATCAGTAAATAGAATACGGCTTCTTCGGTAACAATAAATT
TTTTTGTTAGTTTTTTCTTTCTAATTTCTTGAAAAACGTACTCTATGTGAAACCTTAACGAATAATAAAAAA
AAAAAAGCAAGACATTTTCAAATGAAAAATAATTAAATGCATTGCTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_2738 NM_001053710|Oryza sativa Japonica Group Os02g0566900 (Os02g0566900)
mRNA, complete cds

TGAGGTGTGCGATCATTCAGTTCACTACCCTCTCCAAATCGACCCGCTTCCAACCACTTCCGTAAGGAGAAA
GCAAAAACAAAGAACCCCAAAATGGATTGCGCGAGCTGTGGTCAATTTTCGGCCAGGCGTCGCCGGAGC
TGTGTTGCGCGCCGATGGTGGTTCTGGGTTGACGCCGTTGTCTGCAGTTCTGTTGCCGTCTCCTTTGTCCACT
ACCTCCCAGGTATTTTTGCTTCTTTTGGGCTTAAATGTTCAATTGCGTTCGCAAAGAAGACATCGATTATTCTC
CATACGAGGAGGGGAATGGAGGTTGAAGCTTTGGCTCTTCTCGCTTATGTGGTATCATTCGTTTCATTAGC
AGCATCAGTGGGTCTCTTGATACAAGATTCAGTAGTAAAACTGGGCCATCAGTGTGGACAGGAGTTGCAGG
AGTGTTACAGTGTGTGTTTGTGTTGGTTAGTGGGTTGATTTACTGGACATCTCACTCGGAGTAGGTTGGAAAG
AATTATGCACCAAGGCAAGACCTCAAAAGCTGAAGAGTTTACCAACTGTATAGAGCTCCAATGTGCACTGCAA
TGTCGAGTCATTTGTTTGTGTCTATTGACCTGAACCCAAGAGCCTTTTACTTTTGTAAATGTCATGTGTTTGA
TTATAAGCTGAAACCATGTCTATATGTCTTTATGAATTCATATAAGTGAGCGAGATATTTAATGTTTAGCTTTT
GTTCTTTTATTTCTTCAAAATCAAAATGTTTTCTGTGCAAAAGAATAGAAAATAAAATATAACTATGGTCATGTA
GAAGAACTATCAACATTAATTGTGATAAAGTTATTGTCATCTGAAAACAATAATTACCAATCCATT

>trans_s_2739 XM_002875602|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata harpin-induced family protein, mRNA

ATGTAATCACATTATTTATCATCATCCCAAACAATGAGCGCCAAAGATGAGAAAGATTGTGGCCACGACGACG
ACGACTACCAACAATTCCTCCGTCGTCTCGGCATCGTCCTCCTAATCTTAATCATAATCGTCGGCATTATAATCT
TCATCGTCTGGGCCGTCTCCGCCCGTCAAAACCACACTTCATCCTCCAAGACGTCACCGTTTTTCGGCCTCAAT
GCATCTGTTTCCCAAATCTCTTATCCCTCAATCTGCAAGTTACTATCTCTTCACGTAATCCCAACGATCGCATTG
GCATTTACTATCTCACAATGGATGTGTACGGCGCTTATCGTGGCCAACAAGTTACACTTCCTACGCTTCTCCCTT
CTACGTACCAAGGCCATCGCGATGTCGTGCTTTGGTCTCCATTCTTAGTGGCGATGCGGTTCTGTGCTGCC
GACGTTGCTATGTCGTTGCAACAGGATCGAAACGTTGGAGCTGTTTTGTTAATGTGAAGATTGATGGGCAGG
TTAAGTGGAAAGTTGGGACGTGGATTTCAGGTAGGTATCATTGAATGTAACTGTCCGGCGTTCATTAAGTT
TGGGAACCTGATCGTGCCATTGCTATTGGTTCCGCTATGAAGTTCAAATTGTTCAAAGCTGCAACGTTGAAG
TTTGAACTTTTTTTTGTTAATTAAGAAATTGTTTTAAATAACAAACTATTTCAAAGAAAATATATTTTAA
ATATAGTAAAATTACTTTACTATATTTTAAATATTTTTTTTTTTGAGTAAGTTTTGTTATATTTGAAAACAATTT
TTTTAAATTAATTAATTCATTTTTTTTTCTAGTATTGGGAATGAGATATTGTATGTTG

>trans_s_2740 Z49990|S.tuberosum mRNA for U1snRNP-specific protein (U1A)

GAGCGGAGTGGCATTGCATGTATCGAACCCAGACCTCGTTCCTTTCTTTTCGACCTTCTCCGCTTCTCCATTAGA
GCATTTCTATTCCGCTGACAAAGGTGAGAGAAATGGCGGAGGTCAACCACTGGCAACGAAGTTCCTCCCAA
CATGACCATATACATTAACAATCTCAACGAGAAAATCAAGCTGGAAGAGCTGAAGAAGTCGCTGAACGCGGT
GTTCTCGCAGTTCGGGAAGATTTTGAAGTGTTAGCTTTCAAGACCTGAAGCACAAGGGACAGGCTTGGGTT
GTGTTGGAAGAAGTATCTTCTGCGACTAATGCGCTTAGACAGATGCAGGGTTTTCTTTCTATGATAAGCCTAT
GAGAATACAATATGCGAAGACAAAATCAGATATAATTGCAAAGTCTGACGGTACATTTGTTCTCGGGAGAAA
CGAAAGAGGCACGAGGAAAAGGGGAGGAAGAAGAAAGAGCAGCATGATGCGAATCAAGCTGGGATGGGTC
TGAATCCTGCTTTTGTGAGCATATGGTGCAACAGCGCACTCTCAAGTACCTTATTCAGGGTGGAGTTATGG
TGCCGAGGCACCTGCCCCACCAATAGCATTTTGTGTACAAAATCTTCACACGAGACAACCTCAATGATG
CTACAAATGCTTTTCTGTCAATATCCTGGTTTCAAGGAGGTTCAATGGTTGAAGCAAAGCCAGGTATTGCATT
TGTAAGAATACGGTGACGAGGTACAATCAACAGTCGCCATGCAAGCACTACAAGGTTTCAAGATGAAACCAAA
AAATTCGATGTTGATAACCTATGCGAAGAAATAGGATAGTAAACTTGGCCGAAACCACCTGCTATATTATTC
AT

>trans_s_2741 EF694005|Castanea sativa pseudo-response regulator 5 (PRR5) mRNA, complete cds

AATTTGGAGCAATTTCTGAACCAGCATCGCAGCATAAGCAGTCCAGCAAGCAGAAAGATAGAGAATTCTGGG
CAGTCTGCGGAAAATCAAGGTCATATATCACCTACCACTGATCACAGTGCAAACAGTAATGTATGTCGTGGTA
ATACGACTCAAGTTGGAAGCCTGGGATATCCTAGCACCTGCGGAAGCAACAGCAGTGTAGATCGAGTTGGTA
TTGCAAGGGTTACATCTGAGAGTAGAAATGAAGAAGCTTTATTTTCTCAAGGAGGAGATTCTTATCGGTCCAG
TCAAAGAGAAGCAGCTCTAACAAAGTTCCGACTGAAAAGAAAAGATAGATGTTATGAGAAAAAGGTCCGTTA
CGAGAGTAGAAAAAGCTGGCAGAGCAGCGTCCGAGAGTGAAGGGACAGTTTGTCCGGAGAGTATCGACTG
ATCCATTACCTGCAGAAACCAATGACAATACATCCAACGGTTAGCAGTTGGAAATAGGAGCGCTGTAAAGCC
CTTGAATAAGCGTTAAAGCCATATTGCTGCCTTTCGCCCTTCACTTAATAATACTTATAGAACTGATAAAACG
AGAGTGTTGGCTTGGGAAACTACAGGAACAAGAAGCATAAGCTGCCTTCTTCTCCCTTCCATATTCATTTATT
TGCTTACTTCCCAGAATTCTCTATCTTTTGAATTTCTAGAAATTCGTGAGGGACATTCTTTATATTTAACATGT
AGATACACATCTCCAACATATGTATATTAATTTTGTTTTTTCTTCTTTTGTCTATTAGGATGTACTTTGTCTTTG
GAGTTGAACTGGATTTTTCTGATCTAATGTAATTCAACTGAATTGTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2742 AB190367|Pyrus pyrifolia PpGAL6 mRNA for beta-D-galactosidase, complete cds

CAGCATGGTCCGTGAGCATCTTGCCAGACTGCAAGAATGTGGTGCTGAATACTGCAAAGATTAATTCGGTAAAC
AACCAGGCCATCCTTTTCAAATCAACCTTTGAAAGTCGATGTCAAGTCTTCTGAAGCATTGACTCCGGTTGGA
GTTGGATAGACGAACCAAGTAGGTATCTCGAAGAATAATTCTTTTGCGAATCTTGGACTTTCAGAGCAAATAAA
TACTACAGCAGATAAAAGCGATTACTTGTGGTATTCTCAAGCACTGATATAAAAGGTGACGAACCTTACCTT
GCAAATGGATCAAACACTGTCCTCCATGTGGATTCCCTTGGCCACGCTCTTCATGTTTTTATTAATAAAAAACTT
GCAGGAAGTGGGAAAGGTAGTGGTGGCAGTTCTAAGGTTTCTTTGGACATCCCCATCACATTGGTACCTGGG
AGAAATACAATTGACCTGCTGAGTTTGACAGTAGGACTTCAGAATTATGGAGCCTTTTTTGGAGCTGAGAGGTG
CAGGGGTACAGGTCCTGTAAACTGGAAAGCCAAAATAACAACATAACTGTTGATCTCTCTCGGAACAATG
GACGTATCAGATTGGACTTGAAGGTGAAGATTTAGGCCTGCCGAGTGGAAGTACTTCCAATGGCTTTCTCAA
CCTAACTTGCCTAAGAATAAGCCTTTGACGTGGTACAAGACCACATTTGATGCCCCTGCTGGTAGTGACCCACT
TGCTCTAGACTTCACAGGGTTTGGAAAAGGTGAGGCATGGATTAACGGACACAGTATTGGCCCGTATTGGCC
ATCGTACACTGCCTCCGGTCAATGTACTTCATATTGCGACTACAAAGGATCTTACAGCGCAAACAAATGCCTT

>trans_s_2743 XM_002873986|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata La domain-containing protein,
mRNA

TTTACTTCTACGAGCAAGTACTGGAAAAAAGCGATCTAATCGAAAAAAGAGCAAGTGCAATTCAGAGAATA
GAGAGGGAACCTCACGATTATCTAGCAGTGCTACAGGATCAGCACGGTCAAAACCTAGTGAAAATTCTGCTG
GATACTGTGGTTTGGATGAAATTGGGAATGCTAGTCCCAGGAAGAAACAAACTAAAACCTTCCCTAAACAACA
ATCTTCACATAAGCAACGCTTTTTCTCCAGCAACTTTAGAAATCATGGAACGAGTCGGAACCTCTTTGGCATTG
TAGCAGAGGGTCCACCTAGTAATTCTGTAGGTTTTTCTTTGGTTCTACCCCTCCTGATAGTACAAGCTCCAGG
CCGTCGAAACTGAGTGTTTTCTCCTCATGGAACTTCCTTGGCAATAGTCCACCAGTGGGATCCCTTCCCAAGTC
TTTTCCACCCTTTCAGCATCCCAAGTCACCAACTTCTAGAAGAGAATGGTTTTAAGCAGCAGAAGTACCTTAAAT
TTTACAAAAAGTGCTTGAGTGATAGAAAGAAGTTGGGTATCGGTTGCAGTGAGGAAATGAATACTCTATATC
GGTTTTGGTCTTATTTTCTTAGAGACATGTTTGTTGATTCAATGTACAATGACTTCCGAAAAATATGCACTGGAA
GACGCTGCTTCCAACCTATAATTATGGAATGGAGTGCCTTTTCAGGTTCTACAGTTATGGTTTGGAAAAAGAATT
TAGAGAGGAGCTATACACGGACTTTGAACAGCTTACCCTTGAGTTCTTCCAGAAAGGAAATCTTTACGGCCTT
GAGGAATACTGGGCATTCCACCACTATCGTAGAACACGAGATCAGAAAGAAACCCTAAGAAACATCCGGAAT

>trans_s_2744 NM_001057844|Oryza sativa Japonica Group Os03g0754900 (Os03g0754900)
mRNA, partial cds

AACCATTTTCTCTTTTTTTCATCTTCTATTTCTAAAACCTCCACACATCCCGTATTTATGATGGGGCTCTGAAC
CGTGAAGAATCCGAGAGTGGAGTCCGAGTTGGAGTGGAGCAGGGAGCTAGCAGTCGGGGTGCTAAACTGA
AATAACTGAGGTATTGTTTCGAAGGAGGAGATGGAAGGCAGCTTCGAACAGACCCTTCAAGATGGAAAGCTT
TATAGACAAGTCAATTCTCTCATTGTCGCTCATCTTCGTGATCACAACCTCACCCAGGCTGCAAGTGCTGCTGCT
TCAGCTACAATGACACCGCTGAATGTTGATATCCCACCTAAAAGCTTACGGAGCTCGTTGCAAAGGTGATAC
CAGGGTCTTGCGGTGGAGAAGGATGAGACATTAAGAGGGGAGTCTGCTTCTGCATTGTATGAATTTGGTTCA
TCAGTGCCCACTACATTTGGATCTGCACAGCCCTCTCGTGCTTCTGCCATCAACTTCAGCACTACACAGGATAC
AAAAGTTTCTTCGAAGAATTTTCAAAGCACGAGACTCGACATCTTCCGAGCATAAGAATGCTGCCAGATGT
GCAAGATTCAGTGCTGATGGGAGATTTGTTGCAACTGGAAGCCGCGGATATGTCAATAAAGCTGTTTGAGGT
GGCAAAGATCAAGCAGATGATGCTGCCAGATGCAAAAGATGGTCCTGTCCGACCGGTTATAAGGACATTTTA
TGATCACATTCAACCAATAAATGATTTAAGAATTTTCATCCTCAGAATACTGTTCTTGTATCTGGTGCAAAAGAC
ACACAATAAAGTTCTTTGACTTCTCAAATTGACTGCAAAAAAAGCATTTAGAGTTATCCAGGATACTCATAAC

>trans_s_2745 BT008737|Arabidopsis thaliana At1g74320 gene, complete cds

AAGGAGTGGAAAGTGTTTTTTAACCGAGAAGATGAGATAAAGACATTTGAATTTATGTCAAAGCACGGGCAGG
GACCTCGGCTTCTAGGGCGATTTTCAAGTGGCCGAATTGAAGAGTTCATCCATGCAAGGACACTATCAGCTGT
GGATCTACGTGATTCAGAAATCTCTTCTTATAGCTGTAAAAATGAAGGAGTTCATGATCTCAATATTCCAG
GTTCAAAGAATGTGTGCTTGTGGAATAGATTGCGAAATTGGCTAACTGCAGCCAAAAAATGTTCCCTGCCTGA
AGAAGCCAAAGCCTTTCACCTGGATTCAATGGAAGAAGAGATTTCTATATTGGAAAAGGACCTCTTGGGTGAT
CGTCAAAGTATAGGTTTTTGCCACAATGATCTACAGTACGGAAACATAATGCTAGATGAGGAGACTAGATCAA
TAACTATAATCGATTATGAATATGCAAGTTATAATCCCATAGCCTTTGACATTGCAAATCACTTCTGTGAAATG
ACAGCTGATTATCATACAGATACTCCTCATGTTTTGGACCACACCAAATATCCCGTTTTGCAGGAGCGCAAAA
GATTTGTTCAAATATATCTGAGTGCTTCAGGTCATCAACCCAGCGATGCTGAGGTGGAGCAATTAGTCCAAGA
TGTTGAGAAGTATACTCTTGCTAGCCATCTTGTTGGGGCCTCTGGGGAATAATATCGGAGCATGTAAACGAT
ATTGACTTTGATTACATTGAATATGCGAGGCAGAGGTTTGAACAATATTGGTCTAGGAAACCTAATCTTCTGGC
TCAGGAGAAAATGACTCGTGTATAGTTGGTGAGTTTTTGTTCATGTGAAAATCAATAGGAACGTTCTGTTTT

>trans_s_2746 AF479038|Triticum aestivum holocarboxylase synthetase mRNA, partial cds

AAAGCCTCCCGAGTCTCTTAACAGTCCCTTTTTGGCCTTCCCCAAATCCCAATTCTCCCTAAATCTTCATCTTCAC
TGTGAGAGAAAAAGGAAAAATCCGCCGTACCCCTCCGGGATCAGACCCTTTACTCACCGGAGAAGAAGATTA
ATCCCTTCATCATGGCCAACAAGCGGAAATCTATCACTACCAGCCTCGACGAGGTAGATCGGACCATGTACGC
CTCTTTTTGCAGTGCAGCTAACTCTCTCTCCAGCTTTACACCCAGGCTATGAACCACCAGAAGCTTTCTTTCA
AGCCGGTGAACGTCACGCCATGGAAAAGCTTTATCAGTGGATGTTTAGACAACAAGAAGGTGGATCGAGAGT
GACAACAACCTGACGTACTCAATTATATACGGAACGAGTTGGATTACTGTGGAGAGGAACCGTCAATGTCCCCG
AGACCTGCAGTCCACCAACATCATCATGCTCAACCAACAATGCAGTTTACAAATTCAAGCTTTCCAGCCTCAGG
TCTTTCTGGGCAAGCAACTACCGGACAAGGTAGTCGCACCGAGCACTCTGAGAATCATTCCAAAAGTTCAGTC
TTCTCGAACGCTCTGTCTAGCCCTGTTCCGCCGAAGTTTGAACAGTATCACATTGCTCACGAAGCTCACTACCC
AAACAGTGGGATGTCGGGAGGAAATGGAGCCACTCGAAACAATGAATCCAACCTTTCTTCAGCATCAAAACAC
TGAACCTAATTCAGTCAGCTCTAACGACTCATCGATGGACATGCATGCAGACAGTCCTGCACATGATTCACATT
ACTGATTTTGAGATCGCCAACCGAAACAAAGTTTTATTAGCCTGTGACAACATGCTCAAGTTACTGGCT

>trans_s_2747 AB062739|Arabidopsis thaliana MKRP2 mRNA for kinesin-related protein, complete cds

CTGGGAGGAAAGGGAGGCATTCTGGGCGTCTTAATGAAAGGGCCGGGACAATTAATGATGAATTTGATACCT
GGAGTCTTGATTCCGATGATTTAAAATTTGAACTTCAGGCAAGGAAACAACGTGAAGCTGCCCTCGAAGCTGC
TTTAGCTGAAAAGGAATTTGTAGAAGATCAGTATAGGAAAAAGATTGAAGAGGCAAGAAGAAAGAGGAGG
CTCTGGAAAATGATTTGGCTAACATGTGGGTGCTTGTTGCTAAGTTGAAAAAAGAGGGAGGAGGAGTCGGGC
CAGAGTTACCGAGTGACGCTAGGCATAATCGTGAAGTAGCAGTAGAATGCTTTGTTGATGAAAAAAAATTCA
AAACAAGAACCGATTCTAGCATTACGGACAGAGGAATGGTGGATATCTTAAAACCGCTGGAGTGGAAGTGC
CAAAGGAAGAACCACTCGTTCTCCGCCTCAAGGCAAAGATGCAGGAGATGAAGGAAAAAGAGCTAAAAAGC
ATGACAAACGGGGATGTGAATTCCTCCAATACGTGTAAGTATGTTTTGAATCGCCAACCTGCAGCAATTCTTCT
TCCCTGTCGGCATTCTGCTTGTTGTAATCTTGTTCTTCTGCTTGTCCAAGTGTCCAATCTGCCGTACAAACATT
GCGGATCGGCTTTTGCATTTACTTCTTGATGTGGCATATACACACACGCACACCACCTTATTATCCTCTCGA
TAAAGGGATTTGTCTTTGAAGCTACCATTTGCTAGATACCATGCAATTCCAAGGAGGATATTCTTTGATTAATC
CGTATGTATCTTCTGAAAAGCAAATATATCATATCATATTTTTCATACAATATCTGAAAAATGTAAATTAATAT
G

>trans_s_2748 XM_002864080|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase M48 family protein, mRNA

ATTTTCATTTTACTTTTCACGGAAATGAATACAAATATTCATGAGAGAATTAGTTTCTGATTCAATTTGGTTTAT
TGGACTTCCACATGTGTTTTAATCTAGAGATATGAATTGCTCTAGAAAATCGAAGTTTGTATTCGATGCATTTCC
GGAATTTGTCTTCAAAGATTTTTCCCAAAGATTTAATTCAAGGTTCTAGATCAAGAATTTCCCATACTGGGTATT
CGTTTCCATCTGGGAAAACCTCTAATTCTCATGGGTTTCAATCGGTTTCTCCAATTGTACAAAGATTTGGGGAG
ATCAGGAGACGATACAATCCCTTCTTCGGTGATTCTGAAGAGATTTTACTATGTCTGATCGCTACCGTGTCCAGCA
TTTTAAGCCAAGAGGACCTCGGCGATGGTTTTCAAGATCCAAGAACCTTATTGATTGTTGTGGTGGCGGGTTCTG
GGAGTTTTTATCACTGTGTATTACGGGAATTTAGAGACCATACTTATACGAAACGAAGGCATTTTGTGCTGTT
GTCCAAACCAATGGAGAGGAAGATTGGAGAGTCTGAATTTGAGCAAATGAAAGCAGCTTTCAAGGGTAAAAAT
ATTGCCTGCTATACACCCAGAAAGTGTGAGAATAAGATTGATTGCTAAGGATATTATTGAGGCATTACAAAGA
GGGTTGAGGCAAGAGAATGTGTGGAGTGATTTAGGCTATGCATCAGAGGCTGTGATTGGAGCTCCTGAAGG
GAGTGGCCATGAGACATTGATTGCGCTTAGAGATTCTGGGAATGAGAAGTTGGAAGGTAAATGGTACCGTGA
AGATGAGATTCTGGATGACAAATGGGTTGAGCAAAGTCGAAAAAAGGGTCAGGGGTCCCAACCAATACCT

>trans_s_2749 U53345|Camptotheca acuminata AP-1 Golgi-related complex component protein (ap19) mRNA, complete cds

AGAAGAAGCTTTACTGTGATCAGAGAGATCGAATTTTTTTTTGTTGAGGATTTTGGCTTTGAGACCGCTGGTTCT
TGGGAGTTCATAACAAAATGATTCACTTTGTGCTTCTTATAAGTAGACAAGGAAAAGTGAGGTTGACAAAATG
GTATTCTCCATATTCTCAGAAGGAGAGATCTAAGGTTATCCGTGAGCTCAGTGGAATGATTCTAAATCGAGGG
CCTAAGCTTTGTAACCTTTGTGGAATGGAGGGGACTGAAAGCTGTCTATAAACGATATGCTAGTCTTTACTTTTG
CATGTGCATCGATCAGGATGACAATGAACTAGAGGTCTTGAATTATTTCATCATTACGTTGAGATTTTGGACC
GTTACTTCGGCAGTGTCTGCGAATTGGATTTGATCTTCACTTTACAAGGCCTATTATATATTGGATGAGCTT
CTAATTGCTGGTGAATCCAAGAATCAAGCAAGAAAACAGTAGCAAGATTGATAGCCGCACAGGATTCGTTG
GTGGAGACTGCAAAGGAGCAAGCTAGTTCAATTAGTAACATAATTGCACAGGCCACCAAGTAGATGAATAAC
TTGAGAGTGTATGTTTCAGTTTTTGCGAAATTGATTGTTCTGAAGTATTGTAATTATATGTTATCTCAACTTGT
ATCAAACAAGTTAATGCCTTATTTTTGCTTATTTCAATTTGTTGTATTCCACAAATTGCTTTTTGGAAAAAAATGC
CCTCAAAGATGAAAAATAAACACATTGTTGAAACCAAACAAGTGAAATTCACATCATCAAGCGCACTGCTT
AAACTTCTCTCATGAATCTCATGACTCCACTTAATAAACATTTAGCCCCCCCCCCCCCAGAAAAATC

>trans_s_2750 NM_122974|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT5G35830) mRNA, complete cds

AGTGTCTCGAAATTTTTTTTTGACAGTTCTGAGGAGGCCGATATGGCAAGCTCAGTGCAGACTTCCCATAGCG
AAGACGATGATATTTCTTCAGAGTCAAGTGGAGAAGAAGAACAACCACTCCTCTATCAGCTCAAAGGCCGAA
TGCTCCGCCGGCTGATGCGTACGTCTGATATAAGCGATGAAGAAGGAGATGGAGAAGAAGAAGAAGAAG
AAGGAGAAGATGAGAATGGGGAAGAGCAAGAGAACGAGGACGAAGAAGAAGAGAGCAATAACAATCCAT
TCCCCGGTCTTCCATGGAAGGCAGTCGGTCCAGTACCGGGGCACCAACACAAGATCCCACAGATAATACAAC
GATCCAAGAAGTAACCATGGAGTAGAGCCTGAACCAATCCCAATCCAGATCCACCAGCGGAAAATCAGTCTT
CCATTCTGTTCAACTCGACAAAGAAAAAAGGATTGCTTCCAGTACAGGTTGTGTTATATCAAGCTGCTATAAAG
GGTGATTGGAAGACAGCCAAATCTATATTTGATGTAGATTCATCAGCAATCACTATGAAGATTACTGATGGAG
AGGATACTCCTTTCATATTGCTGCTGCTGCAAGACATATTTCAATCGTTGAAAATTTGGTTGGAAAATATTCCT
CAGATAACTTAGCTATCAAAAATTCAAATGGAGATACTGCTCTTGCCTTCGCTGCTGCATCAGGAGTTGTAAGA
ATCGCTAAAGTAATGGTTGACAAGAATGAAAACTTCAAATCTTTATAATAATAGTAAACAATCCCAAGTGCT

AATGGCTGTAGCTTACAACGCAAAGAAATGGCTTCCTTCCTCCCTCTCCAGACTGATTTTCAAACGCTAGATGA
A

>trans_s_2751 BT024827|Arabidopsis thaliana At5g67390 gene, complete cds

TGGTGTTCCTATTTCTGAAGCATATCTTTCACGAAAGTTGAAGGAGATTGGCTGGAATCTCACCCCAAACATC
GCACAACCTTTGTATTCTAAACAAATGGGAAATACATGCATTCTCTGCAATTTCAATTTGCTGATCGGTAGTCGTT
ACGATAACAGATTGTTTCAGACTGTTTTTGGGATTCAAGATTCAACACTGCATCAGGTAAAAAGAAGTAAAAA
GGGCTGAAATCCCAATGGAAAAGCTGCCTAAGGCATATGAAAAGGAGTACATGAGGATGGCCATGTTAAAGC
ATGAAGAAACATTTAAACAACAGGTACATGAACTACATCGACTTTATCGAACTCAAAGACACTAATGAAGAA
CGTAGAGAAAAGCAGGGAACTGAGAGTTGGGACAAAAGGAATGAGATATGTTTCAGACAAATCTATGAAC
AAGATGCAAAAACTATTACAGATCAACTCATAACGAACTAGACATGGAGCAGCCTGCTGAAGATGAAC
CAGAAACCAACAATGGAGCTCCGCAGATCATAAACGAGACCGAACTCGAACTAACGCTAGGGCCTTCAAGTT
ACAATACTTCAGATTTCAGGAACAACCACCTACTCTTCTTCAACAGGGTCCAGCCATGAGGGAAGAAGATG
TACGGACACAAAGCAAGTTAAAGGTCAAGAAATGGCGGCTTTGGGGTAACTGAAAATTCCTCAGGCTGCCA
AAACGGGAATAATAGAGGAGAGAAGAAGATGCTAGATTATCCTCCATGGCTTTTTCAAGTTGTGAGCCTTAAC
ATGACTTAATTTCTCAAGGTATAAAGTAATTACCAATTCATTTTTTCAATCAATTATATGAGAACATCTTTGGTT
GCTT

>trans_s_2752 NM_128109|Arabidopsis thaliana phosphate translocator-related (AT2G25520)
mRNA, complete cds

CCAAAATCCCTTCAGTTTCATCCTTTTCCTTCGTCAACTCCGTTTTTCAGTTTTCGATCTGAAATCTTCCCTTTGG
TCGTCGGATAATGGGGAAGGGCGGAGCCATCTCCGAGAGTGTTCTGAAGAAAGTTCTCCTTTCTTATGCCTAC
GTCGCCATATGGATCTTCTCAGCTTCTCCGTCATCGTCTACAACAAATTCATTCTAGATCAGAAGATGTACAAC
TGGCCTTTTCCGATCTCTCTACCATGATCCATATGGCCTTCTGTTCTCGATCGCCTACCTTCTCGTCAGCGTTT
TCAAAGTTGTGGAGCCAGTTTCCATGTCCCGGAGCTCTACTTCAAATCTGTGGTTCCGATCGGAGCTTTGTAT
TCGCTTTCCCTTTGGTTCTCTAATTCGGCGTATATCTATCTATCGGTTTCTTTATACAGATGCTCAAGGCTTTGA
TGCCTGTTGCTGTGTAATCGATTGGAGTTTCGCTTAAGAAGGAGAAGTTTAAGTCTGATACAATGGCTAATAT
GATTCGATCTCGCTTGGTGTTCAGTTGCTGCGTATGGAGAGGCGAAATTCATTCAAAGGGCGTTACTTTG
CAGCTGTTGGCGGTTGCGTTTGAGGCGACTCGATTGGTGATGATTTCAGATTTTGTGAATTCCAAGGGTATTT
CGTTGAATCCCATCACGTCGCTTTACTATGTAGCTCCGTGTTGTTTGGTTTTCTTATCTGTACCATGGTTGATAA
TGGAGTACCCTTTGTTGAGGGATAATCCGAGCTTCCATTTGGATTTTGTGATTTTGGTACAATTCATTCTGTGC
TTTTGCGTTGAATCTTGCTGTGTTTTTACTTGTGGAAAGACATCTGCTTTNGACATGA

>trans_s_2753 NM_148471|Arabidopsis thaliana methylase-related (AT1G16445) mRNA, complete
cds

ACAGACGGAAGCTCCGGTGAAGATAACCCATAGAGTTGGGAGAAATGTTATCTTTGAAATTTGGGTCAAAT
GGGTGGCGGTTGCTACCTCCGAATCACTCGTAGGACGTCAAAGACACTTGAGAAGTCTTTGCTGTTTTTCAA
CCATATTCATTCAAATGGGTTATCTTCTCAATATCAGATTGATGTCAATTCACCATTTGTCGCGAAACATTCTTT
GTCTTTGGAAGGACTGGAGGATGTCATGGTCGGCTACTTTTTTGGAAAGAAGAAGGCGACAGAAGTTGCTCA
CTCTGTTTGGAAATGTGTCGTCAAAAAAAGGGGATACAGTGGTAGATGCTACTTGTGGAAATGGTTTTGATAC
TCTAGCTATGGTCAAATGGTTGCAGATGAATCTGGTTCTGCACGTGTTTATGCAATGGATGTACAAAATGAG
GCTTTAGAAAGTACTTCTGCATTGCTGGACGAGTCACTCAGTGAAAAAGAGAATGGAGGATGTCGTTCCAGA
GGATTCCCCTGTTAGGGTACCTACCTGGTGGTAACAAAGCAATCACTACAAAGTCAGAAACAACATTGCAAGC
ACTTAAAGCTGCCACAAGATTCTGAAACCTAGAGGGCTTATCAGCCTTGTGGTTTATGTGGGGCATCCTGGT

GGACTGGAAGAATTGGAGACCATTGAAAATTTTCTAGCGACCTGGCTGTTGAGAATTGGATTTGTTGTAAGC
TACAGATGTTAAACCGGCCACTAGCTCCAGTGCCTGTGTTCTTATTCAAGAGATGAAAGTGACAGTTTATGAA
GTTGGCTCATACATGGGTCACTTGCTATTGCCTCTTTGGTAGCCCTGGTGACTTTGGATAAATTCATATCAAT

>trans_s_2754 XM_002864708|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata brix domain-containing protein,
mRNA

TGTCGTCTCTATCTCTCTCTCAGTTGATCGGTTTGTGGTCCGATTTTATCCCAATCCTGTTTAGTCTTCCTCCCT
ATTTGGTTCTGTGATCGAACTGACTTCAGCCCATGTTTAATTTTGTTCCTTAGGGTTGCCCATACGTGTATTTGA
CTTTCATTGTGCCGTAGTTCTTCATCAGCAAGTTTTGAACTTCTGCTTCACTACTATTCTGGCAAGCAATGG
CACGGATTGGAACAAGAAGAAGCAGAGGTTTCGTGAAGCCGATTAAGGTTAAGAAACAGTCTAATGTGGATC
ATGTTACTGGGGAGAAAATCCCGAAGAGTTTTGTTTTCTCGAGAGGGAAGTTGCCTGGTCCGCTTAAGCAACT
GCAAATGGATTTGAGAAAATTGATGCTTCCTTACACTGCTCTTAATCTTAAGGAGAAGAAACGGAATAATCTT
AAAGATTATTTGAATGTTGCTGGGCCTATGGGTGTTACACATTTTCTCATGCTCTCCAAAACCTGAACTGCACC
GTATTTGCGAGTTGCGGAACTCCTCAGGGACCAACTCTCACCTTTAAGATAACAAGATATTCGCTTGCGGTG
GACATTGCTCAATCACAATTGCGGCCAAGATGTCCGAAAGACCTTTCAAGAATCCCCCTTTGATTGTACTTTC
AGGTTTTGGGACTGGTGATCAGCATCTCAAGCTCGCTACTATAATGTTCCAGAACATCTTCCAGCTATTGATA
TAAATACAGTTAAGCTTTCAACATGCCAGAGAATTGTGTTGCTTAATTATAACAAGGACACAAAGCTCATTGAT
TTCCGACATTATTCAATCAGATTACAGCCTGTTGGTGTAAACCCGCANGCTTAGAAAAGTTTGTTG

>trans_s_2755 AY108655|Zea mays PCO136147 mRNA sequence

TCGTAATTACATTTGATCCGCCACTAGCAACCAGTCTCGCTCCCCGAACTCTCCCCTTAAGATCGGCGTTCAC
TGAAACTGGATTTTGCCTTTCCAATCTACGTTCTTCCCACACTTAATCCCTATTACAAACCATATTTATACTCA
TTTCTTCATAATTCTTCAAAATTTGGGTAGATCGAAAGACGATGGCAGCAATTTACAGCCTCTACATCATCAA
CAAATCTGGTGGTTTGATCTTCTACAAGGATTATGGGTCTGCTGGACGGATGGATACGAACGATAGTTTGAGA
GTGGCGAGTTTGTGGCATTCTATGCATGCCATTTCCAGCAGCTTTCGCCTATAGCTGGTTGTTGGGTGTTGA
ACTTCTGAAGCTGACACCTTCGATCTCCATTGCTTCCAGTCACTCACTGGGACAAAGTTTTTGTGTGTGTGA
GCCTGGGACTCAGCACATGGAGAGTCTTCTGAAGTACATTTATGAACTATACACAGATTTTGTCTGAAGAATC
CATTCTATGAGATGGAGATGCCTATACGGTGCGAGCTCTTGACATCAACCTAGCGCAGGCAGTGCAAAAAG
AACGTGTTGCTTTGCTTGCCGATGAGCTTAGGATATCCTTCATTTTGTGAGTATTAAATCAAGAAAAGGAGG
CTCATGATATTATTGTGCAAAATACTTGATAATTTACCATCCTTAATGCTAAATGTACTCCGTTCTAGTGAATC
ACGTGAGATTTGGTGGAAAAAGAATGTTTCTTTTCATTGGTCATCAGGAAGTCAGGGTTAATTTTATACCCATT
TTTTGTCAATTGTATACAGATGTGGATCCAGTTAAATGACAGAGCAATGTTATAAGCTTTTG

>trans_s_2756 XM_002320465|Populus trichocarpa formate dehydrogenase (FDH1), mRNA

ATCATCATCATCATCATCATCATCATCACCTCCTTCATCGTTCACGAGTCTCTCATTTACGCACAAAACCTTC
TCAGAGATTCAACAAACGTCGATCATGGCGATGAAGCAGGCTGCTACAACAGCGATTTCGAGCTCTTCTTCGT
CTCTAATCTCTCACTCATCACCTCTCGTCAGGCAGCTTCATGCTTCTGCAGAGAGCAAGAAGATCGTCGGTGTG
TTTTACAAGGCTAATGAGTATGCTGCTATGAACCCTAATTTGTGGGATGTGTGGAGGGAGCCTTGGGCATAC
GTGAATGGTTGGAGTCCCAAGGGCATGAGTATATAGTCACAGATGACAAGGAAGGACTTGATTCTGAACTTG
AAAAGCACATTCCAGATCTCCATGTTCTCATAACAACCCCTTCCATCCTGCCTACGTAACCTGCTGAAAGGATC
AAAAAGGCCAAGAACTTGCAAGTTGCTTCTCACGGCAGGAATTGGATCCGATCATGTTGACCTCAATGCTGCTG
CTGCTGCTGGACTAACGGTTGCAGAGGTTACCGGAAGCAATGTGGTTTTAGTGGCGGAGGATGAACTAATGA
GAATTCTATTCTTGTGAGGAATTTCTACCAGGATACCACCAGGTTGGTAATGGTGAATGGAATGTTGCTGG
AATAGCTCACAGAGCTTATGATCTCGAGGGCAAGACTATTGGAACAGTAGGGGCTGGACGAATTGGCAAAC

CTTACTTCAAAGGCTGAAACCTTTCAATTGCAATCTCCTATACCACGACCGACTCAAGATCGATCCTGAACTTG
AGAAGCAGATTGGAGCACAGTTTGAGGAGGATCTGGATGCAATGCTACCAAATACACATGTAAGGTGGTAC

>trans_s_2757 NM_103516|Arabidopsis thaliana ATRAB18 (ARABIDOPSIS RAB GTPASE HOMOLOG
B18); GTP binding (ATLAB18) mRNA, complete cds

AGAAGAAAGTTTTGAATTCAGAGTGTAGAGTCATTTCAAAGCTTTCTCCAATCTCTCTCGCTCTAATCATACCC
AGTGAATCTTCCAGATTACTATTTGATTCAGTGTGCTTTGCTCTTCTCTGTAATTGTATTTGCTGTTTTGATT
GATCGTGAAATTGATTGAAAGCTTGAATTTGTTGATTAAGGTGTTTCTAATGTCGTCCGCACCGTCTTCGAGTC
AACCGGAGTTTGATTACTTATTTAAGTTGCTGTTGATTGGTGATTCCGGGGTAGGGAAGAGTACTCTTCTTTTG
CGCTTTACCTCTGATTCCTTTGAGGATCTTTCTCCAATATTGGTGTCGATTTCAAGATCAAGCATGTTACAGTT
GGGGGCAAGAAATTGAAGCTTGCAATATGGGATACAGCTGGGCAGGAGAGGTTTGAACGCTAACAGGTTT
ATACTATAGAGGAGCTCAAGGAATCATTATGGTGTATGATGTGACACGGCGAGAGACATTCACAAATCTATCT
GACATATGGGCTAAAGAAATTGATTTGTAACAACATCAGGATTGCATTAAGATGCTTGTGGAAACAAAG
TGGATAAGGAAAGTGAACGTGTCGTCAGCAAAAAGAGGGAATTGACTTTGCTCGAGAATATGGATGTCAAT
TTCTTGAATGCAGTGAGAAAACCTCGGGTCAATGTGGAGCAATGCTTTGACGAGCTTGTGTTGAAGATATTGGA
CACCCCAAGTCTTCTGGCTGATGGCTCAACAGGTTAAAAAGAATATCTTCAAAGAGAAACCTCCCGAAACG
ACCACTACGGCTGGTGGCTGCTGCTCGCATTGATTTATATACTAAAAAATGTANGAGGATTCTCATTT

>trans_s_2758 NM_129991|Arabidopsis thaliana ATP binding (AT2G44270) mRNA, complete cds

GCCTTTGGCCTTTTCTTCCCTTCCGGCTTCCACCGAATTTACGGTTCGTAGTCAACTGAGTTTCCCATCACCT
TCCACCTACCAGGAAGCCAATCAAAGTACAATGGAGGAAGCCGGTCCCAAACCCAAGAGGCCCGTCTCGTC
CCTTTGTTGTTTATGCAACAACAGGAAAGCTGCTCTCGAGAGGCCCAAAACCTCCAACAGATATGCAGAGAA
TGTTTCTATGAGGTCTTTGAGGAGGAGATTCATCAAGTTATTGTGAAGAATCAGTTGTTTCAACCTGGGGAAC
GCATTGCTGTTGGTGCATCTGGTGGAAAAGATTCTACCGTTCTTGCTTATGTGTTATCAGAACTGAATCAGCGG
CACAATTATGGTTTAGATCTCTTTCTTTTATCAGTTGATGAGGGCATCACTGGATACAGAGATGACTCCCTTGA
AACTGTGAAAAGAAATGAAATTGAGTATGGATTGCCACTACAAATTGTATCATACAAGGATTTATATGGATGG
ACAATGGACGAGATAGTGAATGATCGGTTTGAAGAATAATTGCACCTTTTGTGGAGTTTCCGTCGACAGG
CTCTTGATAGAGGTGCTGCATGGTTGAAAGTAGACAAGCTTGCCACAGGGCACAATGCAGATGATATGGCTG
AAACAGTTCTATTAAATATATTACGAGGTGATATTGCAAGATTGAGTAGATGTACTGCAATAATTACCGGTGA
AGATGGACCAATCCAAGATGCAACCTTTCAAATACACATATGAAAAGGAGATCGTAATGTATGCTTACTTT
AAGAAGCTGGACTACTTCTCCACCGAGTGCATTTATTCTCCAATGCTAATCGTGGTTTTGCTCGTGAATT

>trans_s_2759 XM_002879055|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SIT4 phosphatase-associated family
protein, mRNA

ATTTTAAAGAACTAGTATTTATTAATATTTTATGGTTTTAGGTCAATGTTAGAGATTCTGTCTTTCAATTTA
GGAAAACAAGTAAATTACAACAAAGATTTAGGTCTTATTTGTAATTTGGAACAATTCTATGGTTTTAGGGCTG
GGTTTAAACATCTGTTAGGGATGGATTGGTGTCTAATTAGTAAATATGAAGGATTTAATCGATTTATCAAATT
GCGAACGTTATAACATTCTGGAGAAAATCTTGTAATCCATTCATTTACCATCATCATTGTTAATATTAAGCTAGA
TTAAAGAAAATAATCTCGTCTTTTTCTTTTATTCTGAAAATATCTTTTCTATTCTCAAAAAGAAAAAGTTTTAA
TATCATGTTTACATCATTTCCAACTATCATGGAAGTGGAAATCTATTCGGATGTAGAGAAATTAAGACCTTGA
AGTGGTATGATAGTGATCTATGATGGATTAATTTTCGTAACCTCAAAGTCTGACATCCAGTTAGGAATGGG
AAAAATTCATGGTATATATGTAAGTGAGGATGAAATCTTAAGTGAATCTAAAAGCAAAGCCGAGAGGACCAT
TGAGTCTTTCAAGAAGAATTCCATGCTAGGACTTAATTCTAAAGTAAAGTCAAGATAAACATGTGCTTGAGGT
AATTCAGACCCTCCCATCTTAAAGCCCTAATTCATACCCAAAAATATTGTCTATCTTCTTCATCCCTATTGCT

CTTATAACCAAACCAACAAGCGTAAAAAACTTTCAGAATTAATTACTAATACACCTTCAATATTCCTCTAACACT
CCTATAATATCATATTACATATGTAGTGTTGCTTTTTTATAGGTTTGATTAGCTTTTT

>trans_s_2760 FJ376601|Gossypium hirsutum cultivar Xu-142 cinnamyl alcohol dehydrogenase 3
(CAD3) mRNA, complete cds

ATCCACCATTTTCAATTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCGTTGAATTTCAATGGCTCAAACCACTTCCAATCACACTC
AGACAGTCTCCGGTTGGGCAGCCCATGATTCTTCCGGCAAGATCACTCCGTATACTTTCAAACGGAGAGAAAA
CGGCCCTGACGATGTGACCATAGAGATTTTGTACTGTGGAATATGCCATACCGATATTCACTACGCTAAAAAT
GAATGGGGCATCACCATGTATCCTGTGGTTCCCGGGCATGAGATGACAGGGGTGATCACGAAAGTAGGAAAC
AACGTGAAGAAGTTCAAAATAGGAGACAAAGTGGGTGTTGGATGTATAGCCGCTACATGTTTGAAGTGTGAA
TTCTGCCAAGATTCCCAAGAGAATTACTGTGAAAATTTACAGTTCACGTACAACGGAATCTTCTGGGATGGCA
GCATAACATACGGGGGATACTCCAAATGTTTGTTCAGATCAAAGGTACGTTGTGCACATACCGGAGAGCCT
ACCAATGGACGCAGCGGGCGCCGTTGCTATGTGCGGAATAACCGTGTTTACCCCGATGAAAGACCTCGGTCT
GATTGATTCGCCGGGGAAGAAAGTGGGAGTGGTGGGGCTCGGAGGGCTAGGCCATTTAGCAGTAAAATTTG
CAAAGGCGTTTGGGCACCATGTGACAGTGATCAGTACCTCTGCTTCAAAGGAACAAGAAGCCAAAAAAGAC
TTGGGGCTGACGAGTTCATAGTCAGTAAAGATTCTGAACAAATGCAGAATTACAAGAGGACGCTTGATTTTAT
ATTGGACACAGTGTGAGCACAGCATTGCATTGGACCAATCTTGGAGCTGCTAAAAGTGAATGGGACATTGTCA
ATT

>trans_s_2761 AY106073|Zea mays PCO116439 mRNA sequence

ATTCTAATTTCTATTTTAATTCAATCTCTGACTTTCAACAAAGCCTTCCTTTGCTCCCAGTCTTTGGTCTTCGGGG
CGAAGCTTCTTAAGCTCCACAACGCGGTGGCTACCGGCTGCCGGTGATGGCCGACGACAAAGCGCCGATCGC
GATCGCCACCAGAGATAGAGAACGAGATCTAGAGCTTCTAATTCCCGTCGCTTCCTCTCCTAAGGACGATGCC
TCTTGCAAGCCCTCGTCATCTTCATCATCCTCGCAACAGACTGGCCGCGAGACATTTTACAGAGTCTTTAGGAG
CTGGGCCTCAAAAAAGTTCATGACCGGATGTGTCAATTCTATTTCCAATTGCAATAACTTTCTATATAACATGGT
GGTTTATTCACTTTGTGGATGGATTTTTTCTCCGATCTACGCTCAACTTGAATTGATATCTTTGGTCTTGAT
TTGCAACATCTGTAACTTCATCTTCCTGTTGGGGTGTTGATGTCATCATGGTTGGGTGCTTCTGTTCTGGCCC
TTGGAGAGTGGTTCATCAAGCGCATGCCATTTGTTGGCATATTTACAATGCTTCTAAGCAGATTAGTTCAGCT
ATTTACCAGATCAAAACACCAAAGCCTTCAAGGAAGTTGCCATCATTAGGCACCCTCGTATTGGTGAATATGC
ATTTGGGTTTCATCACTTCACTGTCACTCTTCAGAGCTATTCTGGAGAGGAGGAGCTATGTTGTGTATATGTT
CCACCAATCATCTTTACATTGGTGATGTTTTTCTAGTCAACTCTCAGGATGTTATTAGACCAAATTTATCAGTTC
GAGAAGGAATCGAAATCGTCGTGTCTGGAGGCATGTCGATGCCACAGATACTGTCCATACT

>trans_s_2762 XM_002887606|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing
protein, mRNA

CCCTTGATCATAGTGATCGGCTTGAGGCCATTGTCTTAAGCAGCCGTTCTGCCTCCAATCTCATGAAGAGATC
ACTAGAATGCACAGTTTGATTGCTCTTTCTAAGCTGATCAAATATCGAACAATAATTGCCTTGGATTCTCAAT
GGAGTGATGCATCTTCGAAAAGCTCTTCATGCATACCCAGCAGTAGTTTGATCAGGAAGTGGCTTGGTTATCT
TTTGCTGTCCAACGAAGAAAGGGATGACTATCACACAGCTACTAGGTGCTGCAACATGTTGTATGGTTTTGAC
CAACAGAACAAAGGTCTGAAATCGGCATTTGAAATTCATGGTGCTGGAGCTGTGGCCTGCTATACAATTGGCA
CGAGTCATCCGAGGTTTACTTTCCCAACATGTTTCGTATCAGTGCCAGAATGGGATTGGGACCATCCGTCAACTT
CAAAAATGCTTACGTCAAGAGCCGTGGAATTATGATGCTCGATATCTTCTATACTAAACATTCTGCAGAAGGC
ACGTGAAGAAAGATTTCCCTGTCTATGTGTGACTATTGAGCGGCTAATCTTGATTGCCTTTTCTGATGAAC
CATGTTTTACGAAAGATGTGTCTCATCAATATAAGAAGTTTCAGCTTCTACTTTGTGCCTCTGAGATCAGTTTGC

AGGGTGGTGACCAAATTAATGTATCAACTATGCCAAAGCTGCTTCCTCTATTTCACTTCCTGAAATTTATCTTT
TTTATGCACACTTGTTACTGTGCCGAGCCTATGCTGCAGAAAATGATTCTAACAACCTTCGTAAAGAGTTCATA
AAATGTTTGGATTTGAAGACAGATAACTATCTTGGATGGGTATGTCTTAAATTCATTGCATC

>trans_s_2763 NM_103046|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L9 (RPL90B) (AT1G33120)
mRNA, complete cds

TTCGTTCTTGGCCGTCCCCTTCATCGTTCCAGAGAGAGGGAGAGAGTAAGTTGCAATAGTAAAACATGAAGA
CGATCCTCTCATCTGAAACCATGGATATCCCCGACGGGGTGAAGATCAAAGTGAACGCCAAAATCATCGAGGT
CGAAGGGCCTAGAGGGAAGCTCGTTCGCAATTTCAAGCATTTGAATCTCGATTTCCAGTTGATCACTGACGAG
GATACCGGAAAGAAGAAGCTGAAGATTGATGCATGGTTTGGCTCCAGGAAGACTTCCGCTGCCATTTCGCACC
GCTCTTAGCCATGTTGAGAATCTCATCACCGGTGTCACCAAGGGCTACCGGTACAAGATGCGATTTGTTTATGC
TCACTTTCCCATCAATGCTAGCATTACCAACTCCAACAAATCCATCGAGATCCGAACTTTCTTGGCGAGAAGA
AGGTGCGGAAAGTAGATATGCTTGATGGAGTATCTATTGTTTCGATCTGAGAAAGTCAAGGATGAGTTAGTCTT
GGATGGTAACGATATTGAGCTTGATCTCGATCTGCTGCCTTGATTAACCAGAAATGCCATGTGAAGAACAAA
GATATCAGGAAGTTTCTTGATGGTATTTATGTTAGCGAAAAGGGAACCGTCGTTGAAGAAGAGTGATGAAAG
AGTAGTTTTGTTCAACCATGCATTGGCGTTCGGTGATAGTTTCTTTTATATATTTATATCAAATTCGTAGACAA
AATCATGAGAGCTGGTTTTTGAAGGGACAAAATTTATCGTAAAGCATTTAGTTGGACACCAATCGTAATGGGC
GATGGAGTAAATGCCAGTTTTCAATGTTTGGGTTTGTGTGGGATTTCCAGAAGAACCTATGGTGTTCTCAC

>trans_s_2764 NM_001050729|Oryza sativa Japonica Group Os01g0739200 (Os01g0739200)
mRNA, complete cds

ATTTTCGAACCAAATTCGTTCGATTCTCCATAGAGCATTTGCCGGAGTTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTACCTT
TAATTTTCTCTCATCAATCGGTTTCATTGAATGTTAAGCAAAATGGTTGGAGTAGAATCCAATCCATGCTAG
CTTTTCAATCCTCAAAGCAAAATCTAGGGTTCGGTATTTGAAGTATTTATCAATTTTTTCTCAATTTTCGTTTTTC
CCCCAAATCGATCGTTATTCTGTTGATCAATCGCACCTTCTGTTGGTTTCTTCTTTCCGGCTACCGGGACGGT
GGCGACTTCTGTGAGAATTTCTGTTGTCTGTGTTTCTCCATCGAGATCTTCTCCGACTTTTGTTGTTTTTTTTT
TAATTAATGGGGTTTTTGTAGGAATGAATGTTAGGTTTTACGATGTGGGTGTTAATTGTTGTGTATAATC
ATGTTTGTGGTTGAAATTTGTCTATTTGGGGTGAAACGGGTGTAGATTGCTGGTTTTTTGTTTATGTATTCTG
AGATAATTGTTGTTCTTTGGTTATTATTTTTGTTTATTGTAGTTTCGATTTTTGGGGCTTTTTTATTGAGGCTA
TGTATATTGAGGAAGTGAAGGAGGAAGGAGAGTTGCAGAGTGGGGAAGAGGGAAATTCGGGTGTTATTGTT
AGTAATTTGGAGAGTCAGAGCATTGTTAGGTCTGATGTGAAAAGGATCGTTGTTGGAGTTGGGGCTCGTGTA
CTTTTCTATCCCACTTTGCTTTATAATGGTTTTAGAAATAAGCTTCAGACGGAGTTTCGTGGGGGGACAAGGT
TGATGAGTTTATACTTTTAGGTGCTGTTCTTTCCCTGCCGATGTTCTCTCGTTTCGAA

>trans_s_2765 AF198260|Lycopersicon esculentum diacylglycerol kinase (Dgk1) gene, complete
cds, alternatively spliced

CTCTCTCATTTTTTTTCGACGATAACTCATCGTCTTCGCCTCTTCTCAAATCCCTCTCTCCAAAACCCTAGCTT
CTCATGATTTCCACATTATAGATCTCCCACTCCCTCCTTGGGTTATCCAATTACCCTAATCATGGCGGCCGGGTT
CTCTGCCCTGGCCCTGGTTTCCCGTGCTGCTCAGGATCTTCTCTCCCTCAAAGAAGTATGTCTTCGAGACCC
AGCAGAGGATGACACCACAGGGATGGGCCATTGAGATGGGTGGCCAACCTAAAGTTTGTTTCGGTAATTGTGG
AGAATCTCAACAAAAAAAACGGACAGATTCTGTAGAGCTGGCATATTCTCATGAGAATGCTAAGTCAAAGGA
AGGTTCTTCTGATTCTATTGCGGCTCTCGAACCCCTCACTGTCTGCGTGCGTTCCATCAGGTATCCCAGCCTGA
CAAACAACGTATAGTAAAGAGAATAGCTAACTGTACTTGAACGCCTCAAGAATGAACTACAGGTTCTTACGAT
TGTTGTTCAACATATTTGAACTACAATAAATTGAACTAGTTGGGTTGCATCAAGATTTAAAAAGAAGTTGAGA

ATAAGGATTTTCAGAACGTTAAGTACTTACTAGTTGTTACTGCAGTTGGAGTTTGCCTAAGAAATAGAACAAGC
CTATATTAGGATTTCTCAATTGCTGCAAGAGTTTACCGCTTATTATTCTTTTGTATTCTTTAACACTAGAGACTT
GTAACGGTAAAGATTATGAAGAGGGAAGGTATATGCGAGGACGTCGTGATTCCCTCAAGGTGATTCAAAAATN
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2766 GU205266|Brassica rapa subsp. pekinensis lateral root primordium 1 (LRP1) mRNA,
complete cds

TACGACGTGTCAGGACTGTGGTAACCAAGCGAAGAAAGATTGTAGTCACAGACGGTGTAGAACTTGCTGTAG
AAGTCGAGGGTTTCGATTGTGCTACTCACGTGAAGAGCACGTGGGTACCTGCTGCTCGACGGAGAGAACGACA
ACTTATGGCGGTTACTGCTACCGCCGCTGCCGATGGCTCCTCCGCTTCCACCTCCGGCGCGAAGAAACCGCGG
CTAATTCCCTCGAAACCACTTCCCATACCTCCACTTCCAACACCACTCCTCCGAGAAGCCTCGATACGAGCTCC
AGCCATCAAGATGTCGGCAATAAAGAGGCACTACCGGGGCAAATACGAGCACAGGCGGTGTTCAAGTGCCT
GAGAGTGACGGCGGTGGACGACGGCGACGACGAGTATGCGTATCATGCGATGGTGAAAATTGGGGGCCATG
TGTTCAAAGGATTTTGTACGATCAAGGCGTTGAAGCCGGAGACGGATTTCCTAATGTATCAGAATTGCATTT
AGGTGACGGTGTGCGTGGCGGTGGAACCATAAATAATCGGAATGGTTCGTCTTCTCTCCGCTTGTTGATCCG
TCGGATGTTTACAATACTGCCGCTCCGGCAGCGGCGGCGTTCGGGGTTTTCTTGGTGGATCAAATTATGGTA
ATCAAATTAGTTGATATATATTATTCTGATTTTCTTAACAGTTCAACGTGCTTCCCCAAATCAATGGGAAGGGA
ACTAACCAATTATCTTTAGAAAATCTCATTTTATTTATGTCTAATCTGATTGTGTATAACTAATTTCTCTCAACTC
TGATCTTGCACTTTCATTATTAATCGAGTCATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_2767 GQ862814|Citrus sinensis cultivar Pera ubiquitin-conjugating enzyme 13 mRNA,
complete cds

ACCTCCGAAGCTTTCCCTTCGACTCTTTTATAATCTAGAGAGAGAGAGGAAACCTTTCTTCTCTCCACAATTTCT
CTCTCTTCCTTCTCTAAACCTATCGCAACCTTTCCAATCCAACCTTCCAATGGCCAACAGTAATCTTCCCCGA
AGAATCATCAAGGAACTCAGCGTCTCCTCAGTGAACCAGCCCCTGGGATCAGTGCGTCGCCATCAGAAGATA
ACATGCGATATTTTAACGTCATGATTCTTGCCCCGACACAGTCACCCTATGAAGGAGGTGTTTTCAAATTGGAA
TTATTTTACCTGAAGAATATCCTATGGCTGCTCCCAAGGTCGATTTCTCACAAGATTTATCATCCGAATATT
GACAAGCTTGGGAGGATATGCCTTGATATTCTGAAAGACAAATGGAGTCCAGCTCTACAGATACGAACTGTAC
TTTTGAGTATTCAAGCTCTTCTGAGTGCTCCAAACCCAGACGATCCACTTCCGAGAACATTGCCAAACATTGG
AAAACGAACGAGGCGGAAGCTGTTGAAACAGCAAAGGAATGGACTCGATTATACGCAAGTGGTGCCTAAAG
GGAAAGTGCAGAAGGCTTTTACTCTTTTCGGTTTAATAACATGAATCTAATGTGTCTATGGTGCCATTTGGTGT
GGATTTTAATGAAATATTTGGAAGAATTTACAGTGTCAAAATTGTCTCTAAAATTGTAACGATCTCTAAAATTG
CGTCTCTTTTGGCAGGAGTCTGTGCCCCATACTTTGTATGATGATATGATTAGATGAATTACATTCTTCTCTTA
AGTTCTAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2768 EU494958|Actinidia deliciosa xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 13 mRNA,
complete cds

AACTAAATTAAGAAAAATTGTAAGAGAAATGTGTCTACATAAGAACAGCTCAACATACTCTGCTCTTTCTAACA
TCCCATTTCATTTCTTTGTCTCTCTTACATTAACATCTTTTGGCTCTCTCTCTCTTCTCTCACTCATAGCTGT
AGAGAGCAAAGTATTATCCAAACCCCTCTTTTTTCTTCTTCCCCATTCAAGTTCAAACCCACTAAACCAAAA
ATCATTAACTGCCATGGTTTTCTTTCGAATTCCTTTCTCTTGTCTCTTTTCTCACTTCTTGTTTC
TGGGTCTTCGAGGAATTTCCCGATTCTCGACTTTGAAGAAGGTTATAACCCTTTATTTGGTGATGACAATCTCG
TCCTTCTCAAGGATGGCAAGTCAGTTCATCTTCATCTTGATGAAAGGACTGGCTCTGGGTTTGTTTCTCAAGAC

CTTTACCTTCATGGGTTTTTCAGTGCTTCCATTAAGTTGCCTTCTGATTACACTGCTGGTGTGTGGTTGCCTTTT
ATATGTCAAATGGAGACATGTTTGCTAAGAACCACGATGAGATAGATTTTGAGTTCTTAGGGAATATTAGAGG
CAAAGATTGGAGGATTCAAACCAATATTTACGGGAATGGAAGCACAAGCATAGGTAGAGAAGAAAGATATG
GGCTTTGGTTTGATCCATCTGAAGATTTTCATGAATACAGCATCCTTTGGACCGAATCTCTCATCATCTTTTATG
TGGACAATGTTCCCATTAAGAGGTGAAAAGAACGGCAACAATGGGAGGGGATTTTCTTCTAAACCAAGGA
CTTTGTATGCAACAATCTGGGATGGATCTACTTGGGCTACCAAGGGAGGAAAAACAA

>trans_s_2769 NM_001073061 | Oryza sativa Japonica Group Os12g0264500 (Os12g0264500)
mRNA, partial cds

AGTCTGGTAGCTGAATCGTAAGCTATTTGGCTTCCACACACACTTTGTTTCCTTTTCACTTCATTGAACGAGACG
ATTTGCGATCAATGGCATCTTTGATTCTACCCGAACTGACGAGGATCAGGTTTTAGTGGAAGAGAAGCGGTT
CGTGAGATTATTGACTTTAAACCGAACTAAGCAGTTGAATGCTCTTTCATTGACAATGGTTTCCCGGCTATTAG
AACTCTTTGTTGCCTATGAGGCAGATCCCAGTGTGAACTTGTGGTTGTCAAGGGGAAAGGAAGAGCCTTTTG
TGCTGGGGGTGATGTCTCAGCTGTGGTTCATGACATAAAAAGGGGTGATTGGAAAAAAGGTGCTTATTTCTT
CCAGAAAGAGTTCACCTTCAATTATTTGCTAGCAACTTTCAGCAAGCCACAGGTTTCTCTACTTGATGGTATTGT
CATGGGAGGAGGCGCGGGTGTTCATACATGGTAGATTCCGTGTTGCGACGGAGAAATCGGTGTTTGCAAT
GCCTGAAACTGCTTTAGGGCTCTTCCAGATGTCGGTGCTTCTTACTACTTGTCAGACTCCCGGGGTTTTTG
GCGAATATGTTGGGCTAACAGGTGCCAGGTTAGATGGTGCTGAAATGCTCGCATGTGGCCTTGCTACTCACTT
TGTCACCTTCAGAGAGATTGACGCTCTTAGAGGAAGCACTTTCAGAGCAGATACAAGTGAACCAAGCATCATT
TCATCAATTATTGATAAATTTTCCCAAAGACCAATTCTGAAAGAGCAAAGTGTTTATCACCGGTTGCATGTTATT
GACAAGTGCTTCTCTCGAAAAACAGTTGAAGACATATTGGCTGCTCTTGAAGATGAGGCACTGAAAA

>trans_s_2770 AF240679 | Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

AAGATAGAAGAGCCAGATTGCAGGCTCAGTTCTCTCAAATACGGCCAGTTGCCATGCCTGCTTCAGTTGCCCC
TCGGATGCCAATATATCCCCCTGGTGGACCAGGTATTGGACAGCAGTTGTTTTATGGTCAAGCTCCTCTGCAA
TGATTCCTTCCCAAGGTGGCTTTGGTTATCAGCAGCAGCTTGTTCTGGTATAAGGCCTGGTGGAGGGCCAAT
GCCAAATTTTTTGTCCCAATGGTTCAGCAAGGTGAGCAAGGCCAGCGCCCTGGGGGCAGACGTGCAGGAGC
TGTCCAGCAAACTCAGCAGCCTGTTCCAATGATGCAACAACAGATGTTGCCTAGAGGAGGACGTGTCTATCGG
TATCCCCCTGGAAGAGGTTTGCCTGATGTTGCTATGCCTGGTGTGCTGGAGGCATGTTTTCTGTTCCATATGA
TATGGGAGGTATGCCATTGCGAGATGCGGCACACTCTCAACCTATCCCTATTGGTGCAGTGGCTTCTGCTCTG
GCAAATGCTACTCCCGACCAACAGAGAACAATGCTGGGGGAGAATCTTTACCCGCTTGTTGGAACAGTTAGAG
CCTGACAACGCGGCCAAGGTAAGTGAATGCTTCTGGAGATGGACCAGACTGAGGTTTTGCATTTACTAGAGT
CCCCAGAAGCTTTGAAGGCGAAAGTAGCGGAAGCTATGGAGGTTTTGAGGAATGTTGCGGCAGCTCAGCAG
CAGCAGCAAGCTGGCAATGCAGCAGATCAGCTAGCTTCTGTGCTGACGGAGAACCTTGTGTGCTGAGTTG
CTTGTGTTCATAAAGCTCCCTGAGTCATGAAACGAAAATGTAGTTGTGTGTGATACAATTGACTGTTTGTTAT
TT

>trans_s_2771 NM_001074581 | Oryza sativa Japonica Group Os11g0544000 (Os11g0544000)
mRNA, complete cds

CCAGCAACTAATCACTAAGTTCCACAAGTAAGACCTGCATTCAGTGAAGAGCAGACTGTTATCCAGAAGCATC
TTTCCAGCCGCCATTTGAGTAATGGTGACATAAACGAGGCTCAGAACTTGAAGAGAACCTTGAAAGTCATGG
TAGGATCAATCATCATGGTCATGAATCAAGTTCATCAAAGATGGTTTAAACTTGATGGATGCATTGGATGAA
AGTATTCCAGCGAGTGAGGCTTCATTTTACCGGCTGGAGATGTTAAAAGTTCAGCTATTTACAGGAAATTCAC
ACCCAAGCGACGTTGAAATAGAAGATCTCATGAAAGCTCAACCTGATGCGATTGCGCACTCGGCCGAAAAGA

TTATTTCTCGTTTAAGAGCAGGTGGAGAAAAGACCACACAAGCGCTCAAGTCTCTCTGTTGGAGATGCAAGGG
CATTCAAGTTGAGGAGGCAGTAATCAATGGTATCGATTCACTTGGATTTGATGTGAGGGTTTGTCCGGAAC
CAGGTCCAAACGTTGCGGTTTGCTTTTGATACTCGAGCAACCTCAGAATTCAGTGCAGGAAAAACAGCTGAACG
ACTTGCTTTTCCCGAGAATTCATTCCAACATCAAAAAATGAAACAAACATACCAAATGAATGCTAAACATTG
TAAGCCTTCTCACTACATTACAATCTAATTATGGTTGTGTTTGGCTTTCTCAGGTTCAAGTTCCGATCTTTAATG
TTTCAAAGCAGAATGGAAATAGGTAAATTTATTTTAACTGTTGATTCATTAGATTATGGATCTGGTGATTGCA
AACCCGCAATCATTCTTCAATTTATTATCAATTGGCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2772 U14599|Zea mays Bz2 gene, complete cds

ATTACCCACAATCCTAAATCCTTCTTTTTCTTCTTCCATTTCCCGTAAACTTCTGTTTCCCATTAATTCCATCAATG
GCGTCTCAATTTCCCTTTTCATCTCCCAGATCTGACCTTTCTTGTTTCCATTTCTGAATCTCCTTTCCCTTTTCAT
GGGGTTCCTCTTTTTTTAGCTCTAACCCGATCTTCTCCTCCAATAAGAGTTAACTCCAATGGAATTGTCATCCT
CTGTTGATTCTCTTGATACCCACCAGGATCTTTTCCCATCAACAAAGAATACGATGATTTTCCATTGGTTACTG
TGGCGTCAAAACCTCTGATTTTGGGATCCAACCCGATAACAAGTTCCACTCGATGAGCGCATTGGAGATCTT
GAGAGAAACGGTTCGGATTCTTCGTTACAATTCTACTGCGTTTGTGCTTATTGCCATTTTGGTCATTTGCCCTGT
TTCCGCTGTGTTTCTATCCAATGTGTTAGTTGATGAGTCGGTTGTTAAATGCTGACTATTCGATTGATATTAGT
TGCTAAGTCCAGTGGGCTTCCATTGATGCCTATCATTGAACATTCATGCCAGAGATTTGCAGAGTCGATTCTTT
CCTCAGCTATGTGTTTCCCTTTGTTTCTTACTCTTTCTTTGGTATCTAAAGCGGCTGTCGTTTCATACGGTGGATTG
TACATATGCAAAAAGAAGGTTTGAATTAGGCCTGTTTCTTGCTATAGTTTCGTAATATATGGAATCGTCTTCTCTC
CACGTATGCTTCGGTGTGCTTGAATTGTTGGTTGTCTTACAATGTTCTTGTTCTGCTTGGAGCTGTTTGCAC
TACTCTTTATGTATTGGGGTTTTTCGCCTGATCTATTTGTATCTGCTG

>trans_s_2773 NM_001085260|Arabidopsis thaliana C2 domain-containing protein (AT5G47710)
mRNA, complete cds

ACTTACCTGACTCACGGTTAACCCCTCTTCCAACCTCTCCACCTTGCTTTCAGTGCTTTTCTTGTACTTGGATGCGG
CCATTGCTATGGAAAGTGAATCGTTGGGATTGCTTAAAGTGCTTGATTCAAGGGAAGAACTAGTGATTCCG
TGATTTCAAGAGCAGTGATCCTTATGTTGTTGTCAAGTTGGGCAATCAGACAGCAAAGACAAAAGTTATCAAT
AGCTGCCATAATCCTGTGTGGAATGAAGAGCTAAGCTTCTCCCTCACCCACCCTGTTCAAGATCTGACATTTGA
AGTGTTTGACAAAGATCGGTTCAAGTCAGATGACAAGATGGGACATGCCAAGCTGAGTCTTAAGCCGATAGT
TTCGGCTGCTAGGTTGACAAGGGCTCTTGAGTTTCGTTAGGGGCAACAATGTTAAGAAAAGTTATTCCAGAC
ACTGATAACTGCTTAACCAGGGACAGCAGCATTAGTTGTATGGAGGAAGGGGGTGTAACACAAAGTGTGTTGG
TTGAAGCTCCGTGATGTAGAATCTGGTGAAATAAACTAAAGATCAAGTTCATTGACCAACCCGGTCTGCCAT
CTCGATAAAGATTAAGGGAAGTTTTAGGCCTTGAACCTTGAATAAGCCTGTTTGCAGCCTACCGTTACAAGTG
ATTACTAGTAGAATGAGGCAGGTATTAGTGTCTGAAGCTAAAATAGAAGGTTGTGTTTTGTGTTTGGTTGGTG
GTTTTTCTTGATGGGAATGAACATAGAGGAATTGGAATGGAAAGTTCATTCTTGACTTGGATAATATTTTGA
GTCGTGGAATGATTCTCTCTGAGAGTTCGAAGTATGAAAATTCGGTAGCATTAAAGAGAAAAATGATGTT

>trans_s_2774 BT010518|Arabidopsis thaliana At5g37070 gene, complete cds

AGAAAAGTCGCACAGAAAGAACGCGTGGAGAGGGAGACGAGACAACCTCATCTCTCTCTCTAATAGCCAT
TTTTCTCTCCTCCAATTCTTCCGATCGATTTCTACTGCTTTTCCGTTCAATTGAAAGCTCAGAATGGATCAGAT
TATGAACAAAATTGGTTCTTATTGGTTCAACCAGAAGGCCAGTAAGGAGATCGGCTCCATCGGCGATGACATT
AATTCATTGTCAACGAGTATTCAAGGAGGAACTAGCTGGTTGGTTAATAAAATAAAAGGAAAAATGCAAAAA
CCTTACCAGACCTGCTGAAGGATTATGACTTGGCAGTGGGAATTTTCCCTCGTGACGCAACCACTATGAGTT
CAACGAGGAGACAGGAAAGCTTACTGTCTTCATCCCAGAAATCTGTGAAGTTGGGTATAAAGACTCATCAGTC

TTGCGATTTAACACCACTGTGACTGGGTATCTGGAAAAGGGGAAGCTAGCAGATATAGAAGGAATGAAAACA
AAGGTGATGATATGGGTAAAAGTAACTTGTATTACTTCCGATGGACCAAAGCTCAACTTCACTGCTGGAATGA
AGAAAACCAGGAAAAGAGAAGCGTATGAAGTCCTTAGAGATGGTGTAATGTCGAGAAGTTCTAAATGTG
GGGATTCTTTTTTGGTTGGGTCTTTATATACTTATAAAGCTTAAATCACCATTAGATTCTTGTTCTTGAATGCGT
TATTATGATCTTTCCCAACCGTATATCACGATTACATGCTATTTTCATGTCCAATAGGGCATATGGTGTGCCGT
TTAGTAGAATGATCTATAAGAGGACTCGGACAAATTTGCATCTTGACCAAAAAAACAAAAA

ATGGAATTCATCTTTTAGCGCTATCACACGTTTACCTCGTTCACATTTGAAGCATCGATGCACAAAGCACTTG
GCTCGAAACTTGTCCATCCATACCGTTATCGATATACTCCAACCTCGCAAGAATGTGCGATGCACCGGATCTCTC
ACTCAGCTGTATGAAAATGGTGTCCACCCACTTCAAGGCCGTTGAGAAAACGGAGGGCTGGAAGTTCCTGCA
AAAACACGACTCTTGGCTTGAGCTTCAAATTCTGCAGTTCATGGAAGAATCCGAATTGAGGAAAAAAGATGC
AAAAGGCACAAGAAAGAGCAGAGGGTTTATCTTCAACTAAGCGACGCAACTGGAGTGTTTAGAGCACATCTG
TAAAGAAGGGTGCACAAACGTTGGGCCGCTGGACGTGGAACCCACAAAGAAGCAGCCATGTTCTAAATACTC
TACGTGTCTGAGATTCAACTTCTGATTAAGCACTTGCAACGTGTGAGAATAGAGTCCACGGAGGAGCTTGC
TGGCGGTGCAAACGAATGTGGCAGCTTCTTCGCTTGCATGCCTCCATCTGCCACCAATCCGATGCTTGCAAAGT
CCCTCTTTGCAGACAATTCAAAACAAAAAATGAAGCAAGAGAATATTGAAAAAGACGATGCGAAGTGGAAGCT
GCTGGTGAAAAAGGTGTTGTCTGCTAAACAATTTCTTCAGTTTGTCTTCCCAAAGGAAGAGAGCAGTAAGG
GACGCCATGAGCGCCGATTGCATCAAAAGCTTCCGATTACAATCCGATAGCTGTCATTAACAACCTTAGAAAAGT
AGAAAGTAATGTTGTTTTGCTTCTTAAAGAAAAAAAGGAGACTAGACTAGGACGAGCAAGAATATGTTGTT
T

GCTTCGACTCTCCTCTTTCTCTCTCTCTCTCCCCCTCTATCTTTTCATCCATGGCTTCTCTCTTAGCTAATGGA
ATTTACGCTTTCCTCATAACCCCACTTGGGAATTACAAAAAGACGCAATCCCAAAGCTTCAGAGTCCGAGAAT
CGCTAACTTGAAGATTTCCAAGTCGAAGCCTTTCAGGGTCCGAGCAGATGTTGGATACGATCCCAAACTGCC
AACTCCGGTCCGATTTCTCAAGGTAAGTCTCTCCGTCTTCTACCACTACTGATGAGAAAATTCAGGATATTCTT
CGTAATCGCGATTACGATAGGAAATTTGGGTTTACTGTGGATATCGATTGTTTTCAATCCCAAAGGGCTTTC
CAAGGAAACAATTGATTGATTTCTGTCCTTAAAGGAAGAACCCGATTGGATGCTTGAGTTTCGGCTGAATGCT
TTTGAGAAATTCTTAAAGATGAAAGAACCCACGTGGTCTGATAATCGATACCCACCAATTGATTTTCAAGATGT
TTGTTATTATTCTGCCCTAAGAAGAAACCCACTTTGAATAGCCTTGATGAGGCGGACCCGGAGCTGCTTATGT
ATTTTGATAGGCTTGGGGTTCCATTAAATGAACGCAACCGTCTAGCTAATGTTGCGGTTGATGCTGTTCTAGAT
AGTGTTTCAATTGCTACTACTCATAGGAAGACGCTAGAAAAAGCAGGTGTGATTTTCTGTTTCGATATCAGAGG
CAATTAAGGAATATCCTGATTTAGTTAGAAAGTACTTGGGAAGAGTTGTCCCAGCGAGGACAACCTTTTATGC
TGCATTGAACTCGGCGGTGTTCAGTGATGGATCGTTTTGTTATATACCAAGGACACAAAGT

CTTTCCTTTAACAACTCTCTTTTAATTTATCTTACCGTCATTA AAAACTCTTCTTTCTCTCTTTCTCTCTCTCTCTCT
CTGCCATTGCATTGCGGAGCCAAACCCAAGCATGACCAGCTCCTCCGACTCCGCTCTCAAGGCTCTCAGTAAG
ATTGCTTGCAATCGCCTCCAGAAGGAAGTGTGAGTGGCAAGTCAATCCCCCTGCTGGTTTTAAACACAAGG
TCACCGATAATCTTCAGAGGTGGGTGATTGAAGTCAACGGTGCCCTGGAAGTCTCTATGCTAATGAAACCTA
TCAGCTTCAGGTGCACTTTCCTGAGCATTACCCAATGGAAGCCCCACAGGTTATATTTCTGCATCCAGCTCCTCT
GCATCCTCATATCTATAGCAATGGTCACATTTGTCTAGATATTTTATACGATTCATGGTCGCCTGCAATGACTGT

AAGTTCTATCTGTATCAGCATTCTCTCCATGCTGTCGAGTTCCACAGCAAAGCAACGCCCTGACGATAACGATC
GTTATGTAAAGAATTGTAGGAACGGAAGATCTCCGAAAGAGACAAGGTGGTGGTTCCACGATGACAAGGTGT
AACTTAAGATCTTCCATTGTTATATGCCTGTGGCTACCTTGTGTTGTAAGGTGGAAGAAGTAGAAAAATGATTAT
GGAAAAGAAAAAATGAAAAAATGAAAAACACAAGTAAAGTGGTAAGGCCTGGCATTGTAAAGGAAGATG
AATTTGTGCTTTTTTACCAATGACTAAAAAACAACTTTCTTGCTTCCTTCCTGGGTGTTGGGTTATCCTTCTT
GGGTGAGAACCTCTCTTGTTACAAAATTCATAAATCATCAGTAATGCCTCCTTCCTTCCTT

>trans_s_2778 NM_112370|Arabidopsis thaliana exonuclease family protein (AT3G15080) mRNA,
complete cds

ACTGTTTCCCGGTTTAGGGCCACCGGGAGAGAAGACGACCGAAGCGGCGGCTACTATTAACATGTAAATTGT
GGGAGTCGGACGTTAAAGTGGGAGCTTCAACATTATGACATCTCAGCTCAAGAAGAACCCTAAACCCAAATTA
CTCAACCCCAATTGGGAAATACTCCAACAAAAGCTGAAACCCCATGGTTCAAATCATTCAAAGGCCTCTACTGT
CCAGAAATCCGAAGCTTCATCAAAGACCCTTTTAGGGAAACGCAAGGAAAGATCCGATGTGGAGTCAAATCA
TTCCAGAAGAATATCCTCATTCCGGTGAATGATGACATTAGTCTTACAGATGAAGTAGCTATGGATTGTGAA
ATGGTTGGAGTAGGTCAAGGTAACAAAAGTGCCCTTGGACGTGTTACACTGGTAAACAAATGGGGGAATGTT
ATATACGATGAGTTGTACGCCCGATAGAGCGAGTGGTTGACTTTCGGACCCAAATTAGTGACATAAGACCCT
GCGACTTGAAGAAAGATAAGGATTTTCCAACCTCCAGAAGAGAGTGGCAGAGTTGATTAAAGGAAAGATTCTT
GTTGGCCATGCCTTGCCTAATGATCTTAAGGCATTACTCTTGAGTCATCCCAAGAATGACGTGAGAGACACCT
CCGAGTACCAATTCTTTCGGAAGGAAGGATGTAAAAGAGCTCTCCGCCATCTTGACGCCGAGTTTCTTGGTGT
TCAGATCCAAAATGGGGAGCACTGTCCTGTAGAAGATGCTCGTTCTGCCATGCTGCTCTATCAGAAGAAAAGA
AAAGAGTGGGAAAAGAGTGTTAAAGCTGAACAAAAGCTTAAATTGAAGCAGAAAAACGCAAGCCCAAGAA
GAAAT

>trans_s_2779 NM_126463|Arabidopsis thaliana magnesium transporter CorA-like protein-related
(AT2G04305) mRNA, complete cds

TTTCTGATTTGGGTTTTCTTGTTCTTGTCTGGGATAGGGTTTTTCGAGTTTTTTCAGAAGAACAAATACATGGAG
CTTGCTGATGCGGAGCCTGTTGCTAATGGTGAATTGGATGAAATGGAGAGGGAACCTTCAGCGCGCCTTCTTT
TGCGGGAGGCTGGTCTATCCCGTACACGTTTTCCGGGAATGGTGAGGAAGAGAGCTTACATATTTGATGGAA
ATGGCGACTACTATAACAAGGAATGGGATCTTACTGAGGGTAGAGGAAAGGAGTTTTGTTGGTATCATGTAG
AACTTCCAAAAGGAAATCAAAAAGTGGCCAATCTGCTCAATATCTCATTGATGTTCTTTGCCACCTTTGAAA
CTTCAAGATATTCTCTCCCTGTAAAGCAATGGACCTTTTTGCGGACATGTTGATGGGGCTCTTGTCTTTAGAGTC
AATTCACCTGGTCTGCATCTAGTGATTTTACATTCAGAATTGCTGCTAGAATTACTGAAAATTCTGTATCACC
GTGTCTTTGGGCCGTGTTCCGAGATTAGGATTCTACCGGTTGGTCAGTCTCTTCTCTCGGAGGTTCTAGTGT
GGAGACACCCTCTCACTTTAGAGGTGAGCAGAGGGAAAGTGGGGGCATTGTGATTAGGGAGCATGTTCTTGA
ATTCTTGTTGACAATGAATCACTCGGAGGAGGCTGATAATCCTGTGCCAGCATCCCTCTCAAATCTTGTTGTTT
ATATTATTGATACACATATGGATCACCTTCAAGATGTTGTGACTAAGCTTGAGATCGAGTTGGATTCTGTGGAG
CTTGAAATGGATAAAGGTGGATTGCGCTTAAAAAACAAATGCTTGATGACCGAAAATTTCAAATG

>trans_s_2780 XM_002884681|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ACAACGCATTTTCGCACCGGAATAATTCCCCTAACTCAACGGAGCCGCCGAGCCTTGCCGCCGGTGTGTCTC
CCTCTCCCGCTTCCCTATAAGATGAAGCGGGGCTTTACCTTTTCTCCTCTGTTACCGTCGTCGTTGGCAATC
TCCTTTATCTACTTCTCCACCGTCTTCATCTTCATCGATCGGTGGTTCGGCCTTACGTCCTCGCCTGGAATTATGA
ACCCTACCGTCTTACCGCCGTCACTCTCATGTGCATACCAATTACGCCCTTGCTATCTTTACGGATCCCGGTC
GGGTCCCTTCGACCTACATGCCTGACATCGAGGATTCCGAAAACCTATTACGAGATCAAGCGTAAGGGAG

GTGACCTGAGATACTGCCAAAAGTGTTCTCAATACAAGCCTCCTCGTGCTCATCATTGTCGAGTTTGCAAAAGA
TGCATTTTGCGAATGGACCACCATTCGATTTGGATAAATAATTGCGTCGGCCATGAAAACCTATAAGGTGTTCTT
CGTGTGTTGTCGTGTACGCTCTAGTTGCATGTATCTACTCCCTGATATTACTCCTTGGCAGTCTTACAATTGAACC
TCCTAAGGATGAGCAGCAAGTTGGAGGCCCTTTAGGACTGTTTATATTGTAGCTGGGCTGTTGCTATTCCCTT
TAAGTATGGCTTTAAGTGTTCTTTAGGTTGGCACATTTACCTAATTTTGACAACAAAACCTACAATAGAGTATC
ACGAAGGTGTAGGAGCTATGTGGCTTGC GGAGAAAGGTGGGAACGTGTATTCACATCCATATGATCTTGGTG
CCTTTGAGAATCTTACCACGATTCTTGGCCCAATATTTTCAGCTGGATATGCCCCACATC

>trans_s_2781 NM_102335|Arabidopsis thaliana acidic ribosomal protein P0-related (AT1G25260)
mRNA, complete cds

AACTCTTCAACCATATTTGATTTCTTTCTTCTCCCTTCTCCCTCTCCATCGCCCCATTTTCGCTTGCCAGTTCACC
TCTATACTCAATTTTCTTCGCTTCTTATATCTCTCTACTGTTGCAAAACCCCATCTCAAGGTCTGTATCAA
CTATCAAGGTTTTTTTTTTAGCAGCAATACAAGATGCCCAAGTCGAAGCGTGATAGACCAGTTACTTTATCAA
AAACAAAGAAGAAAGGAAGGGACCACAAGAAATCAATGGTGGAATCGATCAGGCAGGCTGTGGAAAATTAC
AACTCAGTTTTTGTCTTCACTGTTGAGAACATGAGAAACCTCAAGTTCAAGGAACTCAGGGAGCAGCTGAAGT
CAACTAGCAGATTGTTTTTGGAGCAAACAAAGTTATGCAAGTTTCTCTTGGGCGAAGTGCTTCTGATGAGATT
CGGCCAGGCCTTACAAGGTTTCTAAGCTTTGCATGGAAATACTGGACTTTGCTTCAAACTTACCAAAAAGA
AGAGGTTGAGAGGTTATTTAACGAGTATGAGGATTATGATTATGCAAGGACTGGAAGCGCAGCCTCAGAAAA
GGTTGAGCTTAAGGAAGGTCCCCTGGAGCAGTTTAGCCATGAGATGGAACCTTCTTACGGAAGCTTGGGTT
GCCTGTTGTTTTGAATAAGGGTGTGGTGGAGCTTGTATCAGACTTCGTTGTATGCGAGGAGGGCAAGTCTCTA
TCACCAGAGTCAGCCGAATACTGCGTGCACTAGGGCTAAGGATGGCAATTTTTCGGCTGAATTTGGTTTGCA
GATGGAGCCCCGGTGACTTTGAACTTTACATTGATGGACCAAAAAATTCTGATGTGGAATCTGCCT

>trans_s_2782 U64925|Nicotiana tabacum geranylgeranylated protein NTGP4 mRNA, partial cds

AACCTAAAGAGTTCTTCTTCTCGTCTCTTCAAAGAATTCAACTCCGCTTCTCAATTATCTACTCTTAAAAAAAT
GGGCGGGAGCGCTATAGAGGAAGATTGGGAGCTAGACCTTACTTCCCCAACCAATGGAAGAAGTGCCCGAA
CTGTGGTTTTAGTCGGTCGTACAGGTAACGGAAAAAGTGCTACTGGCAACAGTATTCTTGAAGGAAGGCAT
TTAAGTCGAGGGCATGTTCTTCTGGTGTTACAGTCACTTCTGAATTGCAGACAACTGTACTGACTGATGGCCAA
GAGATAAATGTTATTGACACGCCTGGGATGTTTGACTTTTCTGCTGGATCAGATTTTGTGGCAAGGAAATTGT
CAAATGTATTGAATGGCCAAGGATGGTATTATGCTGTTCTTGTAGTTTTTTCAGTCAGGACTCGTTTTCTCTG
GAAGAAGAGGCTGCCCTTCGCAGCCTGCAAACCTTTGTTTGGTAGCAAAATTGTCAACTACATGATTGTAGTTTT
TACTGGGGGTGATGAACTTGAAGAAAATGAGGAGACATTGGAAGATTACTTAGGTCGTTTCATGCCCTGATCC
GTTAAAGGATATCCTTGCCTTGTGTCAAACCGATGTGTGCTTTTTGACAACAAGACTAAGGACGAACGGAGG
AAGGTTGGACAAGTTCAACAACCTTCTCCCTTGTTAATGGTATTGTAATTCAGAATGGTGGACTACCCATTTC
AGATGAGTTATTTTCTGAACTGAAGCGGGGGCTATTAACTTCGTGATCAACAAAAAGAGGTTGATTCTCTT
GAAGGCTACACCAGACAGGAGTTGATGGGAGTTGAAGGAGCAGATGCACCGTTCATATGATGAGCAGC

>trans_s_2783 NM_119951|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT4G37900) mRNA,
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTCGATCTGAATCCGTATCATCATGCTCCAATACCGTACCAAGTATTTTC
TTCAAGTCTTNACAATAGGAAAGAGGGTGCAATTGATGAGAATGCCAAATTAGATCAATATCATATGTTGGGA
CACAAAAGCGCTTTATGGACTTCTCCCTGTTGCTTTTGATTAAATATAGAAATCCTTTGTATCTAGCCACAGCTT
CTTGAAGGAAAATTCATTGCCCATGTGAGGTCGGGACACCTGATAAAAGAAGGGACTTTGTCTTTTGACAGC
TGAAACTAAATCATATTTGGTGTATTTTGAAGCCCCGAGAGCACTTCCGAAATATCCTCTTGAGAATCTCTCG

TGGAGTCGAAGTTGAAGTTGAAGTTGAAGGGCTCTTCAGGATATAATTCATTCCAACTTTTTTCAGTTTCTCTT
GAACAAGAACTCCCAATTGTTCGATATAACATTGGAATTATCAAGTATCTTTCCATAAAGTTCCTCACGATCAGA
TTTGTACCGTACAGGATTCAATCTGTGACAATGCCAAATCCATTACAGTCAAAGGGGACAATAAAGGTCCA
TCAAATAGTGGGGATTCCGAATGTTTGCCAAGTAATGGAAGCCAGTAAGCATTGTACCTATAAATAGCCCTTT
AAAGGCTAGGGCTTTTATAAAGGAATCGATTCCGCTCAACGGCAGAGAGAACTGAAGCTGACGTTTAACTG
CAGCTACCAGATCAACACCTATTTCAATCTGTTGTGCTTCTACCCATTCAAGCTCTTGATTCTTCTCCATTTTGCA
GAACAAGTCTTAAAATTCCTTGAGCATGCGAGATTTGGAGATAAGAACCGTAAAACGACGA

>trans_s_2784 NM_119042|Arabidopsis thaliana cyclin-dependent kinase-activating kinase 1At /
CDK-activating kinase 1At (CAK1) (CAK1AT) mRNA, complete cds

TAATCGAGCGACTGCTATGGAGTTGCTACAAGATAAGTATTTACCAAGGAGCCACTTCCTGTTCCCTTGTCCG
AGCTTCACGTTCTTCGACCAAAAGTGGGCAGGACGAGGATTCTCCTGCAGGATGGTACGACTACAACGAGT
CAGATTCTGATATGGATGAAATCGGCCCCGATGAATGTTACCACCAATGCCACTGGTTACTCCATAACAATTTGAT
TGAGCCACAGTGATTACAGGTATTCCTTAATATTTGAACTATACTTTGTTTCGGTTAGTCCTCATTGCTTGTAAG
GAAAAGCTTCCTTGGTAAATGTTGCATTGTGATCAAGCCATATCTTATCCTACAATGCCATTATCGCTCCCCATA
CTTGATCTACCAAAAATGTCGGGCCGGTCAATCCGATACCTTTCTTGAAGAATGTTGTATCTGAATCCCAATTA
GGCTATTTATTATCCTACGATACCATAATCCCTCTTCAGTCTTCTACTTAAAACACCAAAAGCTTGGAGAACTC
AGATGTCGGAATAGTCATCCCGACGTCCTTCTGAAGGATGTCTTGTCTGTTAATGTAATTTGTGTATAATTGC
ACAAACAAAGATGTGAGTTTGCTCCCCTCCCTTTCTTTCAAGGACCTCAAGTTTTTGCTGCTGCCAACTGGCT
GCCCCGACTGTGGCTCCTTGTCTTGTGTTATGTTTATGCTTTTTCTTGAAAATTGACATATTTTCAAGTTTTTG
CTCTATTGTTATTGTTCTTTCTCCTTATTATCAGGTTGAGAGGGTAAGATAATAGCTTAATTATATGTATGAAT
CTTGCCCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2785 AY139811|Arabidopsis thaliana At2g01710/T8O11.12 mRNA, complete cds

AAGAAGGTAAGGGTGAATCCATTTTTCTCATCTTTCGTTACAATTTTTGGATCAGCAAAAATTCAAGAGCTTAT
GCGATTGCAAAATCAGGACCTTTGATTTTATTTCTTCCAAACAAACCCGTCAGTTTCGGAAGAATCAGTGGG
AATTTTGATGGAAAATTCCAATAGGGTTGAAGCAGAACGCTTGCTTGAATCGCTGAAAACTCTTGACAAT
CGTGATTTACCGGCTCTAAAGATTTGCCATCTTAGCTCAAGAAACCGAGCCACTTTTGGATGGCTCTGATCA
GATCCTAGCTGTTGCCGATGTGTTATTGGCATCGGAGAAGCTAATCAACAACCAAAATGATTGGTATTCGATT
CTTCAAATTGAACGGCGATCTGATGATTAGATCTCATCAAGAAGCAGTATCGGAACTTGCGTTACTTCTACA
TCCCGATAAGAACAAATTTCTTTTGCTGATCAAGCTTTCAAGTTGGTTGTGGATTCTGGGGCTGTATTGTCCG
ACAGTACGAAGAAATCGCTTTACGATAACGAGCTTAACCTTTATGCTAAGATCGATTGTCTCATCAGAACAA
TTGCCAGTGCGCCGGAGCCAACGATCTGGTGGTAAGAAACAGCAAGAATTTGAGAGTAACGACGGCGCCAA
CGCCGATGACGATCAATCTCAAATCAGCGGCTGAAATTATTGAGTTTCTGGACAGCTTGCTTACTGTTACG
TGTTATTTGAGTACCCTAGGGTTTATGAGGGTTGCTGTTTTCGATGTCAGAATTGCAAGAGGGCATTTCAGC
GGTGTGCTTCCGTCGCTTCCGCCGCTCGTTCAGGGCCAAGAAGCCTATTATTGCTGCTGGGGTTTT

>trans_s_2786 AF372951|Arabidopsis thaliana At1g78070/F28K19_28 mRNA, complete cds

TTTTTCAACACAACACACTTCCAGACTCTTCCTTTTTCTCTTCAATTTCCCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT
CTTCTCCTCTCCATTGGTGCCTTTCTTTGAACTTCAACTCAATCCTTCTCTATTCTCTCTGTCTCATTCTCCTCC
ATTCAGTGGTCGAGGTTTGCTGTAGGTGCATGGAGCATTTTCAGAACGACGATCTTGAGTATATTGTGGATG
ATTATTATGAAGTCGATGGGTTTGACGACGGTCGTGTTTTCTCTGATGATGAATTTCACTAATCAGAATACG
GAGCACGTAGACTCCGACTTTGAGGACGATATTGATAACGACGCCGAGGACGGATACCTCTGCTTTGGAT
GTTAGGAATGGGAAAGATATCCAGGGAATTCCTTGGGAGAGGTTACCTTTACTAGGGATAATTATCGGGAA

>trans_s_2787 NM_001125208|Arabidopsis thaliana CPuORF59 (Conserved peptide upstream open reading frame 59) (CPuORF59) mRNA, complete cds

>trans_s_2788 EU074792|Gossypium hirsutum glutathione S-transferase (GST) mRNA, complete cds

>trans s_2789 DQ226867|Boechera divaricarpa isolate SLW-C-F05 mRNA sequence

ATTGTTAATCTTAATAACCTTATACCGAGGGTTTCCTAAACCTGTCGAGAACCTTACCCGCCGCGCCGATGAT
TTATATAGCCTCACTGTAACCTGTGATATATTTGCTGATCAATGGCGGCCTCATCTTCGGCTACGACATCCAATT
CTTCTGATTCATCGTCTTCTTCTCTCGCCGTCGTCGTCGCCGGAGAACTCGTCGTGAAAAAGATCGGGACACG
CTTAGGATTCGAAAGAAGTCTCGCTCTCATTCCAAACGCCATCGAAGGCACCGCCGCTCCTCCTCCGACTCTCT
CTCTTCCTCAGACTCCGAATCCGATTACGCCCGAAGCAATAGCTCTTCTGAAAGTGAGCCTGAAACATCAAGCC
GTTCTGAAGCGGCATAAGAAGAATGATAGAACAAAGAAGGATAAGGAGAGGGAGCGAAGTAGGAGTCATCA

CCATAAAAGGCGTAAACATAAAGCTAAAGAGAAACAACCAGAGGAGAGTAGTAGTCCTGTGCAGCTGTCTAA
GTTTTTAGCACGGGAGAAGGATGATGGTACACGGCGAAGTGCCGTCTCTGGCAAAAAGATTTTGTGAACT
TGACAAATCAAAGGAAGACAAAGCTGAGGAAAAACAAAAGAAATGAATTGCTGAAATTCCTGAACTCTAGCTT
TGACTAATGACCGTTTGTGTTGAAATGAAGGTAAGAGGCATTGTTAGCTGCTGCATGAAAAAATAGAGTTT
TACCAACAGTTGTGTTGGTGATTATGTTGTAGAGACATTTAAGCCTTTGAACTTTCTCCCTTGATGTTTTGATG
CCCATATGGATCAAGATCTTGTTTTAATTCCTTATGGACAGGAGAAATTGAAATGAAAAATTATTTACTT

>trans_s_2790 NM_201732|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT2G14835) mRNA, complete cds

AGGGAAGGGAAGGGAAGAGATCGGCGAAGCAAAGACTTGGCAATTTAGAGAGTACGGTGGGGGATGTTTG
TTGTCTCCTCCGCATAGACAGATACTTCCAAGCGTAATTCATCATTTTAATTTCTGCCTTTCAAGATCCATCTATC
ATCCATGTCCTTCAATTCTTAGTTTTCCATTCTATTCATTTTCATTGGACCCCTCTCCTCGCCGGTTACTGCAATG
GTGGTCTGCAAATGCCGCAAGGCCACGAAGTTGTATTGTTTTGTTTATAAGGTTCTGTATGTGGAGAATGCA
TTTTTTCCCGGAACACCAAATATGCGTGTTCTGTACCTATTCAGAGTGGGTATTGAATGGAGAATATGATTG
GCCTCAAATTGCTGCCTGTGTCATGCTACACTCGTGGAAGGAGTTGGTCCTCAAACCACTCGATTGGGATGT
TTGCATGTCATACATACGGATTGCCTGGTCTCGCATATCAAGAGCTTTCCTCCATCCACTGCCCCTGCTGGATAT
GACTGTCCTGCTTGTCTGTTTCGATATGGCTCCGAAGAACTTTAAAGATTCAGGATCTCGTCTACATGCAAA
GCTAAAGGAAGCTATCTTGCAGACTGGTCTGGAGAAGAATTTGTTTGGAAATTATCCAGTTGGATTTTCACCA
ACAGAATCCCACAGTCCCTCCCCCTGCCTTTCCTCGGATCCCTTGGTTTCAACTTCAGCAGATACACATAACAAT
AAGAGTTCATTAAATTCAGTAGCAAACATCGAGTCAAATCTGGGTGAAGGGTTCTCCGCCACAACCTGAAACGG
GGTCTTCAAAAAAATATTGCAGATATTGTAAAGATTGAAATGCCTGGGTGAGAGGGGAATTTT

>trans_s_2791 NM_001059429|Oryza sativa Japonica Group Os04g0444600 (Os04g0444600)
mRNA, complete cds

GCTCCTTCTTCACACTCAAACTCTCGATTTCTCTCTATCGTCTCTCAACTTTCTCTCCGTCTCCCATCGCCCAAG
ATCTCTCCTTCTCCGATTCGTTCTTCCCTCTCACTCCCGGCTGCTCTTCAAGTCTGAGTGGCTTACTTCAACTCT
GTAATATGTGACCTCTTACCTACCTGCCACTACTGAGTCAATTGCTGAGGCATTAGAAGCTAAGAATTCCTC
AGATTCTATATCAATCCTTTACCGTGTTCTTGAAAACCCTTCATCTTCTCCTGAGGCTCTACGGATAAAGGAACA
GGCTATAACAAACCTTTCCGATCTTCTCAGACAGGAGAATCGTGCAGAGGATCTTCGGAACCTTTTGACTCAA
CTTAGGCCTTTCTTAACTTGATTCCGAAAGCAAAAACAGCAAAAATTGTTGAGGAATCATCGATGCTGTGGC
TAAAATACCAACACATCTGATCTGCAGATTTCCCTGTGTAAGGAAATGGTGCAGTGGACACGTGCAGAAAA
GCGAACGTTTCTTCGGCAACGGGTTGAGGCCAAGCTTGCAGCTCTTTTGATCGAAAATAAGGAGTACCCTGAA
GCCTTAAATCTCCTGACCGGATTAATCAAGGAAGTAATAAGACTTGATGATAAGCTCCTCCTGTAGACATAG
ATCTCTTGAGAGCAAACCTCATTTTTCTCTGAGGAACCTCCCTAAAGCGAAGGCTGCACTTACTGCTGCAAGA
ACAGCTGCTAATGCCATATATGTTCTCCAGCACAGCAGGGCACTATTGACTTGCAGAGTGGCATCCTTCACGC
GGAAGAGAAAGATTACAAGACTGCTTACAGTTATTTCTTTGAAGCATTTGAANGCCTTCAT

>trans_s_2792 DQ097733|Arachis hypogaea isomerase-like protein mRNA, complete cds

GGGAGCGAAAAACAAAAAATATCACATTTCACTGTCTTCTTGCTTCCAATTTTGACCCTCCCGGCTGCGTTCC
GAGATCGCCCAACTTTTTTGAATCTGACGCCGGAATGGCAACGGCATAACGAAATCTTCTGAATGTCGGA
ACCAAAATCATCGCCGTCGGCCGCAACTACGCTGCCCATGCCAAAGAACTTGGCAACGCCGTCCCTAAGGAGC
CTGTTTTGTTTATGAAACCCACGTCGTCTTACTTGCAAATGGAGGGACGATCGAGATTCCTCACCTTTGAAG
TCTTTGGATCACGAGGTTGAGCTCGCCGTCGTAATCTCCAGAGAGCTCGTGATGTTCTGAAGCGTCCGCCA
TGGATTATGTTGGGGTTATGCTCTTGCTCTGGACATGACTGCCCAGAAATCCAAGCTTCTGCAAAGTCTGC

AGGCCTTCCATGGACAGTAGCTAAAGGGCAGGACACCTTTACACCCATCAGTTCTGTTCTGTCCAAGACATCA
ATCCCTGATCCGGATGATCTAGAATTGTGGTTAAAGGTAGATGATGAGTTTCGGCAGAGGGGGCTCAACCAAG
GATATGATCTTTAAATCCCATACCTCATTAGCCACATAAGTTCCCTCATGACCCTTCTTGAAGGAGACGTGAT
ATTAACAGGAACTCCCTCAGGCGTTGGCCAGTGAAGGCAGGTCAGAAGGTGACAGCAGGGATAACAAATAT
CATAGATGTTCACTTCAATGTGCGAAAACCGGAAGAAACCATAAACTTCTTCTCAAGTTTCAAGTTTCTACAAC
CTATCTCAATTTTCAATAAATTCCAGACTACTAACATTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2793 XM_002312928|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T1.2), mRNA

TCCTGACGGAACACCCGCTGGCGGAGGCTTGCTCGTCATCATGATCCATCAAGCGGAAGATGTGGAAGGGAA
GCATCATACGAACCCCTACGTCCGTTTGCTTTTCAGAGGAGAGGAGAGAAGAAGTAAGCATGTAAAGAAGAA
TCGAGATCCAAGATGGGATGAAGAGTTTCAGTTTATGCTCGAGGAGCCGCCTGTCAACGATAAGATCCATGT
GGAAGTACTTAGTGCCTCTTCAAGGATAGGCCTGCTTCACCCCAAGGAACTTTGGGTTACGTGGACATAAAT
CTAGCTGATGTTGTCTCAAACAAGAGGATTAACGCAAAGTATCATCTCATCGACTCAAAGAACGGTCGGATCC
AAATCGAGCTACAATGGAGAACTTCATCATAGGCTAGTAGCCATTCTTTCTTCCCCTTGATTTTTTTTTCCCTT
GAAAACCTTTTCTTCTCCTTG TAGGCTAAAAGTAACTAGTGATTCTTGTTAATGAAATGTTGATATGTTTAT
GGTTTTATTTGATTTTGTCCAAACAAGATTGAATAATATCATGCAGAGTTCTTGTGTTGATTTCAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
GGGGCCACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAGGGGGCCCCCCCCCAAAAAAATTCATCCCCCCC
GCCCCCGGGGGGCGGCCGCCCTTTCCCAAAAAGAAGAGACCAATCCCCATCCCCCTTGGGGCCCTTTT
TA

>trans_s_2794 NM_001066703|Oryza sativa Japonica Group Os07g0595800 (Os07g0595800)
mRNA, complete cds

ACAACACTGGCGCATTGATTCACCATTCTCCCGCGCACACAGCTGCCGCTTGCCGTTGTTGCCGTTAGCTCCAC
TTCCTCTCCCGCTCACTTCTATGACTTCATTCTCTCTCGCCGATGCCTCTGCGCTCCATCTCTAATAAATCTC
CTACCCACTTAGCTGAAGTGGAGGACAGAAGTTCTGCCATTTTGTTGTTCACTAATTTTTAGAACACCCACA
AGGCTGTTACGATCAGTTGTTATTTATTGATCATGGATGTAGGAACCGATAGCTTTCGGAATGAGAAAGTTCA
ACGGTTCGAGGAATTTGTTGACCGTCGCTTGAAACCTGATTTGGTGCATGCAATCGCTGAAAGAGATAAAGTG
TTTGAGCAGCAGAAAGTGTTCTCAGACCTTCGCCGAACATTGAGAATTTGGAGAAAAATAGTATAACTAATC
TCAGAACGTTGGTCAATCTTGGCTCTGAAGTCTACGTACAAGGCGATGTGCCAGATACACGAAGCATATTTGT
AGATATTGGACTTGGGTTTCATGTGGAGTTCACATGGTCTGAAGCTTTGAAATTCATTTCTCTCAAAGAAGAAA
GGTTAACAGACAGATAGAAGAGTAACTCAATTAATTGCATCAATCAAAGCGCAGATCAAGTTGGTTTGTA
AGGGATTCTGTAATTATTACAACCTCCAGCAGAGAGGACTGTGGAAGGACGAGTCTTTTGAGTTTCTTTCCTG
ATAGTTCTGCTTTCCTGGGGATGAAGATGGTCTGAATCAGTATAGTATAAAATCCTTAATTTTGATGCTCTT
TGTAACACTTGTTTCATCTTTTAAACTTTAAGGAAATATATACGACCTTGCTTTTTGTCTCTG

>trans_s_2795 AY372069|Nicotiana tabacum heat shock protein 70-1 (HSP70-1) gene, complete cds

GGAGTGAGGGGCCTTTTCGGCATTAAAAGAGTGAGGGTTCTTAAGAAAACCCTAATCCACCAGAACCCTAA
ACTTCGGTTCCTTCGCCGAGCAAACCAAGCAACCTGAGACTGTGGGAAGGAGCTCATCGGAGAGGAAAAAA
AAAAAAAAAAAAATGGCGAAATCCATGAGATCCAAGAGAGAGAAGAGGCTGAGGGCCATCAGGAGAGAGAT
GGTTGACCCTTTTTACGACAAGAAAGAAGCCGGAAGCTCGCTGCTCAAGAGGCTGCCCTTGCTGCCCTAAG
CTTCCCGTGCGTTCTCTCTTTTCACTCCAATGTCTCTACTATGGACGTTGCACTAGCCTCTACTTCTCCGCC
CTGACGCTGCTATGGATGTGGACATGGATGATTGCAGTAGAAGCAACACGCTGAAGCCTGTAGGTGGAGTTG

GCAAGAAATCCAAAAGAAAATTCAAGGTTGGCAAGGCTAAGCGCCGGGGTAAATGCAAGGTCAAGAGGAAT
CGCCACATTTGATCTCTGATAGATGTTTTTCCCATGGCCAGTATAGATAGTCTCGTGGAACAGTACTATATTAT
ATTTTTTCAGTTCATTTGTCACACTCGAAATTTTGTAGTAGGCTAAATCTGAAGATATATCTTATTTGACTCTAA
AGGTAATTAAGGCCCTGTTCAACTCATTCTCTTTTCGTGGTTCTCCCTTACCCTTAAAGTAGTTGCTGTGATTTT
TTTTGGATCCAAATTCTGAGATACAAGTCCAAGATTGGCTACTGGTATTTTATTTATTGCGAGCATAAAAGCCT
GCTGTGAAATTTGAAATATATGGTGGCCGGCAATTCTCATTGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2796 NM_128408|Arabidopsis thaliana RNA binding (AT2G28480) mRNA, complete cds

GTCAAAAGAGATCTAATTATGTACCTATTGGAAGAAGAGGAGTTTTTGGAGGTGTGATTCTAAACATGCACAT
GCATTGGAAGAAACACGAAACTGTTAAAGTTTATTGCAAGCCTTGTAACCTGGGCAAGTGCATGAGTACGC
ACAGGAAATTGCAAGATTGAGTGGAGGAATCCCAATACAGATAATTGGTGATGATACTATTATCTTCTATCGA
GGGAAGGAATATGTGCAACCAGAAGTTATGTCACCAATTGGTACATTATCTAAATAACGGGCACTGGAAAAG
TCCAATACGAGCAATCCCTTGAGTCTGTACGCCGCTTCATTGCCATTGCTGAGAAGGAACTGGAGCTATATTA
CAGGCATATTGCACTTTATGGTGACCCAAATGATAGGAATCCATTGTCCATCTTAAATGTTCCATCTGACAACT
TGAAGAACTCAGACAAACATCAAATTACTAAAATGGAAGATTCTCATTCTGCTGCTCTTGCCTAGAATCTGAT
GTTATGAATCAAAGAAATCCCGATTTCTCGGATGACGAATCATTAGATATTGGAGATGAATTTGGAGATGCCT
GCTTTTCTACAAGTGAATCAGATTTTGAAAGTGACAAATTAGATGAGTCCGATGATGGGAGGATAGAAGTTA
GTGTTTCCAGACAGAAGAGATGTTCTCAACCACAATGAACACATGTTTCAGCTTTCCGGAACAAATGTGAATTT
CATAAGCAAGAACTACCGATACACTCATAAAAATCTCATTAGACGGAAGTTTGATTTTTTGTTCAGCTTCAATA
GACGTATTAGATACTATGATACAATGTGAAAACATGAGTTGATTTGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2797 HM012592|Glycine max annexin 11 (ANN11) mRNA, complete cds

TACTCTCTGCTTTCTTCTTCTTCTTCTTTGCTTTCGTCTTCTCTCCGATTCAATAATGGCGGATTCTGCCATC
GAAGTTCTCACTCGTGCTCTCTCAGGGCATGGAATAAATGAAAATGCAATGATAGAGACATTGGGAAAATGG
AATCATGAGGAGAAGAAATTGTTCAAGAAAGAAAGTAGCCATTTTTTCAGTGAAGATGAACGTTCCCTTTGAGC
GATGGGAAGAACATGGGATGAGACTTCTCAAGCATGAATTCATGCGCTTTAAGAATGCTGTGGTTCTATGGAC
AACACATCCATGGGAAAGAGATGCTCGTTTGGTAAAGGAAGCATTGAGCAAAGGGCATCATGGCCAAAACAT
TAACATCTTAATAGAAGTGGCTTGACTAGAACTTCTGATGAGCTTTTGGGTGCTCGAAAAGCTTACCATTCCC
TCTTTGATCATTCCATTGAAGAAGACGTTGCCAGCCACCTCAATGGCCCTGAACGCAAGCTTTTGGTAGCATTG
ATGAGTGCATATAGATACGAAGGACCAAAATATAAGGAGGAGATAGCAAATCAGAAGCAAAAAAGTTTG
CTCATTCAATTAAGGAAGCAAACAGCAAAAAAGCGGCCTCATTGAAGACGAAGAGATTGTGAGAATACTCT
CAACAAGAAGCAAACACTTTCTTCATGCTCTTACAAACACTACAACGAAATCTCAGCAGGTGCTCCATTGAT
GAGGATCTGCACGGTGACTTGAGGCTTCAAGAAGCATTTTTGTGCTTAACAATCCCTGTAGTATTTCACTCAG
CTTCTGGATGTGTCATTAAAAGCCGACGCAGACAAGAGATAAAAAAGGTATTGACTCGAGTCGTTGCTA

>trans_s_2798 XM_002884577|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

AACCTTCAGAGGCAAGGATCGTCTCAGAGCTTGGGAAAGAGTTTGATATTGATGCAGTTTATAGTGGTGAATC
ATCATTCAATTGGAAGCCTAAAAATCCGTGGATGATTTCAATCCTGTCTGAAGTTCCCCCAGTTGTCCACCGAATT
TTGACGAGAGTATGCAAGAGCAAGAGAATGAGAATGCTCAATCGTCTACGCAAGATGACGAAATCCTGGAGA
ATAAGATGAATAATAGCGAGGACGAGTCCATGGAGCAGGAAGAAGATGGCAATGGCGAAGGCGAAGGCAA
AGGCAAGGGACAAGATGCAACTAGCAGGCAGAATGAGAAATTGTATTCAGCAGAAGGTATTCTAAATACGAA
AATGAGGAGAGCAGAGAAGAAGCAAAGGAAAAAAGTTAACAAATCATCAGTGTCTACGGATGCAATGGAAG
ACGATGACTATGACTTTAAAGTGGATTTCAAAAAGAAGTGATTGATTCCCTAACAGGAAAAACAAGAATTACGA
CATGATTAGAGGGGATAGATTGGTTGCCATGGAAATCAAAGCTAAGGCTGTAGATTCAAAGTTTTGTTTTAT

GACTTCTATTTAAAATTCACCTTTTTTTTTTCAATAGAATTTTTGCCCTCTTAGATTTTTGGTTCTAATGTAAGCA
AATTTTGTGGCGAGTATACAAGCATATTGGAAGTGGAAAACCTCTGCTTGTCCAACCTCGTGATTGGGTTACA
AAATTATAGGTTATATTTTAATAATTATTTGTTTTATTGTTTGTCTAATTGTAGACCATGTTTACAATGAGTGT
AATTGGAACATGAATCATAATAATAGGCTTGAATTCGTAATCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2799 NM_001069599|Oryza sativa Japonica Group Os09g0382400 (Os09g0382400)
mRNA, complete cds

ATCGATAAACCCCTTCTTCTACGTTCTTCTAAACCCGAGCAGCAGCAGATAAACATGGCGTGGACTACATCTCC
TTCTTTCAATCTCCTCCCTCCCTCTTCTTCTCCTTCCATAAACCCCTCTTCCACCATCCTTCTTCTAATAATCC
TTCAGCTCCTCCTCGCCTCTCCCCACTCTCACACTACCCTCCTCCTCCTCCTCCTTCCCTACCCACATTTGCA
CCGCCGCCGAATACAAATCCCCGACCCAATACCCGAATTCGCCGTCGCCGAGACCGAGAAGTTCAGGGCTCA
TCTCCTTCAAAGCTTTCTAAGAAAGATATTTACGGGGATTCACTTCAACAGGTCGTCGGAATATGCACTGAGA
TATTCAATACCTTCATGCATACCGAGTATGGCGGACCTGGAACCTTTGTTAGTTTTACCTTTTATTGATATGTCTG
ATACTATCAACGAACGAGGATTACCTGGAGGCCCTCAAGCTGCTCGTGCTGCTGTCAAATGGGCTCAAGATCA
TGTTGATAAAGACTGGAATCAGTGGACTGGTGATGATGCCACCTAACACAGTCCCTTCTGCACTAGAAATTC
ATTTTGTTTCATCTGATTTACCATAACTTTTGATCAGATATGGGTGAGTTTGTTCTTGAATGAACTATCCGAGATC
TAGGGATGATAGGGATATAAGGATAGAACTTAGATAAAAAGCAAACAGAACTCTTTCATTGTAACCAAAAG
CTTCAGTGTATTGTCTGCATTAGCAATCTATATTGTTCTAGCTGTACTTTCAATATGGTAATTTTGAATTATGGA
TGTTGTCCTTTCTTGTTTAAACTGATCATTACAGTACGCCACCTTCCAAAAAAA

>trans_s_2800 NM_119793|Arabidopsis thaliana ALDH3F1 (Aldehyde Dehydrogenase 3F1); 3-
chloroallyl aldehyde dehydrogenase/ aldehyde dehydrogenase (NAD) (ALDH3F1) mRNA, complete
cds

AAGTGGGATAAGATCTTCTTCACTGGGAGTCCAAAGGTAGGTAGGATTGTGATGTCTGCAGCCGCAAAGCAT
TTAACTCCTGTTACTTTAGAGCTTGGGGGAAAATGCCCTGCAATCTTAGATTACTCCTCTGTCCATTCCAATATG
AAGGTGGCGGCCAAGAGAATCGTCGGAGGAAAATGGGGGCCGTGTGCCGGGCAGGCGTGCATAGGGATAG
ATTATGTGCTTGTGGAGGATAAGTTTGCTTCAGAATTGATCGACTCGTTAAAGCGAATACTCAAGAAGTTTTAT
GGTGAAAACCTCGAAAACTCGACGAGTATAGCTCGAATTGTTAATGAGAAAAATGTTGAAAGAATAAGCAAT
CTTCTTAAAGACCCAAAAGTTGCTGCTTCCATTGTCCATGGTGGTTCTGTTGACAAAGAAAACTCTTCATTGA
ACCAACAATATTGTTGAATCCTCCACTCGATGCAGATATCATGACCGAAGAAATCTTCGGTCCCTGTTACCGA
TAATCACATTGAACAAAATTGAAGAGAGCATTGAGTTCATCAATGCAAGACCGAAGCCTCTCGCTCTCTACGC
CTTCACAGAAGATGAACTCTCAAGAAACGAATTTGTACAAAACATCTTCGGGAAGTGTACATTCAATGAT
ACCATGGTTTCAGTTTGTGTGTGATTGTTACCATTCGGCGGTGTTGGTCAGAGCGGTTTCGGGAGTTACCACG
GCAAGTATTCAATTTGATACATTCAGCCATGAAAAAGCAGTGATGCAGAGAAGCTTTTTGATAGAAGCTGAGCC
ACGATATCCCCCATGGAATGATTCAAGCTAAAGTTCATTAGATTGGCATAACCGATACGACTATTTCCGGGC

>trans_s_2801 NM_123014|Arabidopsis thaliana eIF4-gamma/eIF5/eIF2-epsilon domain-containing
protein (AT5G36230) mRNA, complete cds

TTTTCTTTCTCCTTTTTCTTCTCCTCTATTCTTTTGGCCTCTCTCGGTCATCTTCTACCCACGAACTCAAGCGAC
TTTTACAGACTCATTTCATCTTCTCCGATCCTTACTCGTCTTGGTTTATGAGCTCGAAGGAGAAACCCACTCTTG
GTGGCACGCGGATTAAGACCCGCAAACGGAATATTACGATACCGCTGGACCCTGCGTCTTTTCTGATGCAGT
GGTCCAGATCTATCTGGATAATGCTGGTGATTTGGAACCTCATTGCCAGGAACATTGAGTCTTCAGAACTTGACT
TCTCAAGATACGGGGACACCTTCTTTGAGGTTATTTTCACTGGTGGACGGACACAGCCTGGAACAACAAAACC
TGATGAAGGAGAGCGCCATCCATACTCTATAATTGACTGTGAACCTAAACGTGAAGCCATTCTACCATCTGTTA

TCTACATACAGAAAATTTTGAGGCGGAGGCCATTTCTCATTAAGTATCTTGAAAATGTTATGCGACGATTCCTG
CAGTCGTTGGAGTTTTTCGAGGAAAATGAGAGGAAAAAACTTGCTATTTTCACAGCTCTTGCCTTCTCACAGAA
ACTATCAGGCCTTCTCCCGAGACTGTTTTTCAGCCATTGCTTAAGGATAATCTCGTGGCCAAAGGGCTAGTTC
TTTCATTTATAACTGACTTTTTCAAGGAATATCTTATGGATAATAGCCTTGATGATTTGATTTCCATCCTGAAGA
GGGGGAAAGTGGAAGACAATCTTCTGGAGTTCTTCCCTCTGCTAAGCGATCTGCTGAGGGCTTTTCTGAGCA
TTTCACAAAGGAAGGTCTGGTACCCTTGGTAGAATACAATGCCAACAAAATACCCACA

>trans_s_2802 NM_125655|Arabidopsis thaliana transportin-SR-related (AT5G62600) mRNA,
complete cds

CGTCTTGCGCAAGTTATCTTCAAAGTTTGATTGAAGCATTATTCATGCATACGACCCGTCTTCTCACAAATATTC
AGGAATTTACTGCTCGACCAGATATTGCCGATGATTGCTTTCTTTTGGCCTCGAGATGTATACGCTATTGCCCT
CAATTATTTATCCCTCTTCGGTATTTCCAGCACTAATAGATTGTGCAATGGTCGGAATCACAGTACAGCATAG
GGAAGCCTCAAATTCAATATTGACATTCTTGGCTGATGTTTTGATCTTGCAAATTCAGCAAAAGTGAACAGT
ACATATCTAGAAGGGATGCAATTGTCATACCTCGAGGTCATGTTATCCTTCGAATTTGGTTGCAGCCTTAACG
GGGGCACTGCCAAGTTCTCGATTGGAGCCGGTGACGTACACACTATTAGCGCTAACTCGAGCTTATAGAGTAC
AAGCATTAGAGTGGGCCAAGGAAAGTGTCTCATTGATCCCTCAACCGCTGTACGGAAAAAGAGCGGTCTGA
GATTCCTAAAAGCGATATCAGATGCAGCTTCAGGATGCGATATAAATGCGCTTGCTGTACCAATAGAAGAACT
CTCAGACGTATGCCGACGAAACAGAAACGTTCAAGAGATAGTTCAAGGAGCATTGAGGCCGCTTGAACCTTAA
TTTGTTGGCTGTATCATAGTGAGGAAAAATGGGGGGAAGGGTTTTAACAAATGAGGAGGCCATTTTGCAAGGG
CTTCGTCTTTGTTTCTGCCATATAGTAGTTGCATTTGAGGCGTAATGCCGGGTGGTTTTATTCTTTTCTTCTTCT
CTTCTTCTTCTTCTTTTACCCTTCTTTTTCTTCATTTTCATTTGGTGTATCAATTACCAATC

>trans_s_2803 AY338488|Medicago truncatula cyclin T1 mRNA, complete cds

AATTCATCTTCTTCTTTCAACTACTCCTCTAACCTTTTCTTCAATTTTCTCCTCCCTCCATCTTCATAATCCTAA
AATCCTTACTGCCAACAAGATCACGGACAACCTTCCAGGATTATCTCTTCTCTTTCGGAAGAATGGCTCGTGT
TCGGAATTTTCAGTTCTCAAGGAGGAATGGTTAATGATGATTACTGGGCCACCCTGAATCGATATGATGTCAAA
AACCACCATCAGGATACAAGTAGGAGCAGTTATTATGATTATGGCTATGGCAGCAACCATTTTGAATTTCTGG
GGCAATATAGAAACCAGGTTGGTAGGTCTATTTATGCAAGACCTGATACTTTGAACTCCATCAAGCCTCATAAC
TCACAGTCTTTTAAAGAGGAGGAAGTTTTCTGCTTACGTTGGGAGGATAGTGGGAGGTATCATTGGCAGGGA
AGGACATATGATAATGGACCTTCGATCTATAGCAATTTGGTCCACCCTCCTCAAGATCCAACAACGATGTCTC
TACGTCTGCCAGCTGTAAACGAGATCGCAGAATAATGGAAGATGATGAGCCTTTTTTTATGTCCAGGGATGAG
ATTGAGAGATGTTACCTTCAAGAAAAGATGGTATTGACACAATACGTGAAACTCATCTGCGGTACACATATT
GCGCCTTCCTTCAGAGTCTTGGTTTGCAGCTTGAGTTACCTCAGACTACCATTGGCACTGCGATGATTCTATGC
CATCGGTTTTTTGTTTGAAGATCACATGCTTGTCATGATAGATTTTTGATTGCCACATCTGCACTCTTCCTTGCT
GCAAATCACAAGAACACCACGCCCTTTGAACAATGTCTGCGAGCTTCATGTGAAATCTGCA

>trans_s_2804 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTATTTTCCCTCTCTTTTTTTTTCTTTTTTTATTCCCTTCGATCATTCC
TTAAGTCCCATAGGTTTGATCCTGTAGAATCTGACCCATTTTTTCATTGAGCGAAAGGTACGAAATAAATCAGA
TTGATTTTTCGATCAAAAGTACTATGTGAAATCTTCGTTTTTTTCTCTTTCTATCCCTATCCCGCGGGTACAG
TGTTTGAATCAATAGAGAACCTTTTCTTCTGTATCTGTATGAATCGATATTATTACATTCCAATTCCTCCCGATA
CCTAAAATTCCGAATTGGATCCAAAATTGACGGGTTAGTGTGAGCTTATCCATGCGGTTATGCACTCTTCGAAT
AGGAATCCATTTTCTGAAAGATTCTGGCTTTCGTGCTTTGGTGGGTCTCCGAGATCCTTTCGATGACCTATGTT
GTGTTGAAGGGATATCTATATGATCCGATTGATTGCGTAAAGCCCGCGGTAGCAACGGAACCGGGGAAAGTA

TACAGAAAAGACAGTTCTTTTCTATTCTATTAGTATTAGTATTAGATTAGTATTAGTTAGTGATCTCCGCTCAGT
GAGTCCTTTCTTCCGTGATGAACTGTTGGCACCAAGTCCTCCATTTTTCTCTGTGGATCGAGGAGAAAGGGGG
CTCGGTGGGAAGAGGATTGTAACATGAGAGAAGCAAGGAGGTCAACCTCTTCAAATATACAACATGGATTC
TGGCAATGCAATGTAGTTGGACTCTCATGTGCATCCGAATGAATCATCTTTCCACGGAGGTAAATCTTGCCT
GCTAGGCAAGAGGATAGCAAGTTACAAATTCTGTCGCGGTAGGACATGTATTT

>trans_s_2805 NM_128100|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-
containing protein (AT2G25430) mRNA, complete cds

CGAGGTGCAGAGAATCACCAGCAAGTTACTCGAAACATTGGAGGAGTTTTTGAGGGAAAGAGGGAAGAGGC
CAAAGAGTCCCAGAGAGAGAGCCACCTCCGCCTGCGCCTGAAGAGGAAGAACCGGCACCTGATATGAATGAG
ATTAAAGCTCTTCTCCACCAGAAAATTACACTCCACCTCCGCCTGAGCCTGAGCCCCAGCCTGCGCCCAAACC
TCAACCGCAAGTCACGGATGACTTGGTCTATCTGAGAGATGATGCAGTTAGTGCAGATGATCAAGGTAACAA
ACTGGCATTGGCTCTGTTTGGTCCAGCAGCTAATGGTGAAACGGATCCTGGGAAGCTTTCCCTTCCGAT
GGACAGCCAGAAGTAACCTCTGCTTGGCAGACCCCGGCTGCTGAACCTGGCAAAGCCGATTGGGAGTTAGCT
TTGGTTGAAACAGCAAGCAATTTATCAAGGCAGAAAGCAGCACTCGGTGGTGGACTCGACCCACTGTTGTAA
ATGGCATGTATGATCAAGGAATGGTTAGGCAGCACACTAGCACTGCACAGCTGAGTGGTGAAGCGCAAGC
AGTGTAGCTTTGCCCGGCCCCGAAACAGCAAACTCCTGTACTGGCTCTTCCAGCACCGGATGGAAGTGTCC
AGGCAGTGAATCAGGATCCTTTCGCAGCATCGTTAAGCGTACCACCTCCTTCTTATGTCCAAATGGTGGAGAT
GGAGAAGAAACAGCATCTGCTTATGCAGGAACAGCAGTTATGGCAGCAGTATGCAAGAGATGGGATGCAAG
GGCAGAGCAGTTTGAACAAAATCAGTAACCCCCCGGTTACTACAACATGGGCGTGGCACCNATGGCTCCCA
TGCCCTAC

>trans_s_2806 AY058185|Arabidopsis thaliana AT5g54540/MRB17_4 mRNA, complete cds

TATTTGGGGCGGTTCCAGTTTCGACGAAGCGAAGGAAGCTACAATGGAGGTGAAGGAGGCTTTGGATAAG
AAAATAGAATCAGTGTCTTGTATCTAATGAGACAAGCATGCAGTCGCAGAATTCGGTCCCTCAGCATGCAA
TTCAAGCATTTAACTGCTCAAGGAAAGTGTGAAGCTCAGACTGTTGTTGCCTCAATTGCCTCTGACCCAAAT
GTGTGGAATGCAATGTTAGGCAATGAAGCTCTTAAGAGCTTCTGCAATCATATCAGAACAATAAGGTTGTTG
AGTATCATGAATTAAGTGAAGGGGTTGAAGAAGCATCAGTTGGCTACAGTATCGGTGAGCAACCGCAAAATG
AGTCGAGAAATGTCTTCAGAAGATGCTAGAAAATATTAAGCTTCAATTGATGACATGCTGGCTAAGGCATC
CAGCTTCATTGAGAATATATTTGGACCCCCACCAGCTGAAGTTTCTGGAGGAAATGACGAAGCAACCTCTGGA
TTTTCCACTGCAGAGAAAGCAATGGGATCGTCCATTATGGGACTGGTGGTCATTGTCGGGGAGGGCAGACTT
GTGAAGCGAAGTTAGATGTCGAACTATCGTGTCTTTAGATAAATTTGTCGACATTTCAATCTGAGTCTCTTA
TCGTGTTCTGCTGGTCTGGAACATATTACTTGAATCCTACATGATGAAAGGAATAGGTGTAATTATTAGTTACT
GCGCTTTGATTTTGGTAATTGCTGACTTTTATACATGTTTTGTGAACCATACATGATGGAAAGAATAGGTGTAA
TTATTACTTATTGCGCTTTTATTTTGGTAATTGCTGGCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2807 NM_001185778|Oryza sativa Japonica Group Os01g0911900 (Os01g0911900)
mRNA, complete cds

ATTGCATTAGAAATTTGACATGAGAAAGACCTTATTTTCAATTATTAGGGCGAATTTCTTCCCAAGGTTTGGGC
CATCCATCGGGCGAATGGCGTCACTAGCGCTCCTTTCCAGAAATTTCTCGTTGTTCTTCATTGCACAAGAGTG
GTTTCATGTCAACAACCTTGGTCTTTCTATCTGGATCACTTTTTTCTACTCACATCGTAGGTGACGATCCGGTT
CTTGTTCCGGGATTTATACATTCCACGTTATATGATCAAAATCATGGATACTTCGCTCAACGGTCACGTTCAAGT
GGAGTTCTTGAACACAGCATAAAGTTCAATCAGCTTGAAGGCAGGAAAGCTTATATGAGATACTTGGATAAA
ATTTACAAGCAGAGTGACGTTTCGTGGTTTACTCCGGTGGAGATTTTAAAGCCTTGGTATGCCCATGGGATTG

CTGAAGCAATCATGCGAACTGCTAACCTTTCCGTTCCACTAAAAATATATGAAATTGGTGGAGGATCAGGAAC
GTGTGCAAAGGGGATAATGGATTACATAATGTTGAATGCACCTACAAGAGTTTACAAGAATATGACTTATACG
TATGTGGTTTTGCTGCATTTTTCTCTACCATGAAATGATAAAAATCTTCTGCTGCCTGCACCAAGCTGAGATAT
CTTTCTAGCTTTTAGGCTGAATTACTTTATGCATAGCACATCTACCTTGTGCTCTCCATATAACCAATGGGGAAG
GAACAACTTTCAACAATTTTTCTTCTGTGAAAGCCTGAAAGGGGGTTAGTTTTTAAAGAGGGAATCTTCTAGAC
TTTGTATTTTTCGACTTTGTATTTTTCCATAAAAATCCTCCGNCATATGTATAGGATCAT

>trans_s_2808 NM_112969|Arabidopsis thaliana ATTOP6B (topoisomerase 6 subunit B); DNA
topoisomerase (ATP-hydrolyzing)/ identical protein binding / protein binding (ATTOP6B) mRNA,
complete cds

TTATAAATCAATCAAACCTCAAGACAAAATTGGTGTGTTGTTAGTATTGTTAGTACTAAGATTCCTTTCAAGG
GAACTGGAAAGGAGTACATTGGAGATGACATATCTGAAATAGCATCTGCTGTCAAGTCTGCTATTGAGCAGTG
CTGCATTCAATTGAAAAGCAAATAGTGAAGAAAATACAAGCACGCGAGCAACAGGAGAGGAAACGGAATT
TGAGCAGATATATCCAGATGCAACAAATGCTATTTATAATGTTTTGAAAGAAATGGCTCAAGTGCATGCATC
AAAGAAGAAACGTCATGACTGTGAGGATGCTGAAATACTCAGTAAAGTATCTGCTCGCTTGATTACAAATGAG
ACGTTGAGGGATAAAGTGCAGAACATGGTGAACAGGTCGACCATGAAATGGCCATGGAATATGCCACACAG
AGTGGTGAAGTGCAGAACCCAAAGAAGAAATGTATATCCAATCACTGGATGCAACAGATAACTTCACTGACT
TCCAGAGCCCTTTGTTTGTTTTGAGGCTGATTTGTTAATTTTCATTGATATGATTATTTTTTACCTTTTCATTTTAT
TATGAATAGATAAAATGCACGAAATTGTAATTGTTATTGAACTCATTGCTTTCTGTCCTATATGGAAAAAGAG
AAAAAATAATAAAGGTAGAAGATGCGGTGTAAAGAGATGGGAAATTAATTCTAAAGAATCACATACCATTT
TTTTTTGCACCATCTTAGTTATCTTTACTAACATTTATAAAAGGTGTTGGATATATCTCATATCGACATGTCTA
TGGATATTTTAATCATAAGTTTTGTGTTGACTAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2809 FJ376655|Lactuca sativa phyto kinase mRNA, complete cds

ATTCATCGTCGCTTACCGTCCCATCAGCCTGTGGCTGTGTAATTGCCGCCATGAGCCTCCTGGCTCTTAGCCGC
CGTGACTGGATTTCGACCACCGCCGTCCTTTTTTCCCTCTCCGTCGAACTGAAACAGCCTCGGATTCTACCTTC
CGAACTCTCCACCGTTTACCGCCGGTATTCCGGATTCTTCTTTCTCCTCTAGCCGCGTTTACCTCCAGTACTC
GCAGTGTCCAGCGACGTTTTGCATGATGCTGGCGCAACAGCGGCTGTTCTCGTCGGTACCTACTCGCTTGTTT
GCGGATTGACAATCTCACCCGGCGGAATTTGATTGAGCAGAAATTTGAGCAGAAAATTTGTCCACATATTGTC
CGGATTGCTTTTACAATGTCTTGGCCTATATTGAGCAGCTCAACGGAGGCTCGGTTCTTCGCTTCAATTGTTCC
TAGTGTGAATTGCTTGAGGCTTGTATCAATGGCCTCTCATTAACCAAAGATGAAGGACTTTTGAAATCACTTA
CTCGGGAAGGAAAACAGAGGAACTGCTGAGAGGGCCTCTATATTATGTTCTAATACTGATTTTGTGAGCTGT
TATCTTCTGGCGTGAATCTCCAGTTGGTTTGATCTCACTGGGAATGATGTGTGGAGGAGATGGTATTGCTGAT
ATAATGGGAAGAAAGTTTGGGTCCAAAAGGCTTCCTTATAATCAGGAGAAGAGTTGGATTGGTAGCATTCTA
TGTTTCATCTTTGGATTTTGTGTTTCCATTGGAATGTTGTACTATTACTCGGTTCTTGGATATTTAGAGCTGGATT
GGGTAAAGGCAGTGCAAAATGTTGCTTTAGTTTCTCTGGTGGCCACTGTGGTGGAGTCTCT

>trans_s_2810 NM_001073316|Oryza sativa Japonica Group Os12g0485800 (Os12g0485800)
mRNA, complete cds

AAAAGAAGAAAAAACTTGTAGTTTAACTAAAAAGAAGAAAGGAAGAACAATCAAACCTAAAATCAGATTT
CCACAGCCTACGATCTTCTTTTTTCATCGCTTAGTCTTCAACGCTAATTCGACTGAGCAACTCCATTTTCCAGAC
CTACGCCGTTCCGCCGCGAGCCTCACTTCTTGCCAATCTCCCCCTCGCCACCGCCGGGAAATTTCAAACCTCT
CTTTTCCCTCGCTCTTTGTCCACTCTCATTATTAGATCAAAATGGCAAGCTCAAGTGAAGTGAACGCAAGGAA
CCAGTGAATGAGCAAATGGTTGCAACATGTACGGTGCTTTAAGGTCAGAATTGAATCAGATATACTCAAAAA

TCACAGAACTCGAAATGGAAGTCAGTGAACATTCTCTTGTTATTTCCGCAATTGAGCCACTTGACCCATCAAGA
AGATGCTACAGAATGATCGGTGGAGTGCTGGTTGAAAGAACTATCAAAGAGGTCCTGCCGGCTGTCCAACGC
AACAAAGAGGGACTCGAGGAGGTTATTTCAAGACTCCATGAGGCATTGGAGAAGAAGAAGGAGACATC
TGACTTGAGGCCAAATACAAGATCAGGATTAGAAAGCATGATGGTGAGGCTAAGGAGGAAGACAGTGGGC
GGGAAAGAAGGTGCAGCCCAAGGAGTCTTAGTAGGCCCTGCAGGTGAAAGCTAAAACCTCAACCCCATCAT
GAACTTTTATCATCATATTCTTGATGTTTCATCCTGATGGTTCAGTGTATAAGCATGTTTGTGTGAATTTTGT
TTGACAAACTTTTCAGTTTCTCATAGGAAGATTCTGGACTTGTATGGTATATATAGATGATTTTGAGG

>trans_s_2811 BT014785|Arabidopsis thaliana At3g26510 gene, complete cds

AGGCTTGAGAAAGCAACTCCAAATCTTCTTCTCGGTCTCTTCTTCTCTACATTCTAGTCCCTCCTTTTCAATC
TAAACTGAACCGATATCTTCGGCTTCAAACGAAGAGGAAAATGGTCGGAGCCTCCCACCGTACCGGCGGAAT
CGCTGCCAGATCTGACAAAACCTGCGACTATCAAATTTCTCTGCAGTTATGGAGGCAAGATCCTTCCTCGTTATC
CTGATGGAAAACCTCCGTTATATTGGTGGTGAACCTCGTGTCTTGGCGTCGATCGTTCCATTCTTTCTCTGAAC
TGTTGTGCAAGCTGGGACAATTGTGTGGAACGTGTGTGAGTCTTCGTTGTCAATTGCCTTCTGAGGATCTGGA
TGCTTTGGTATCGATAACCTCCGATGAGGACCTAGCGAATCTCATCGAAGAATACGATCGAGCAGCCTCGCCG
CCGTCTTCTTTGAAGATCAGAGCGTTCCTTTCACTGCCTAAATCCGTGAAAAAAAATCCTCTATCTAGTTCGTG
GCCTCTTCATCATCGTCGTCCTCAAACCTTCATCTCCAATAACTGCTATATCCTCTCCAAGGATCTCAACGCAG
GTTCTGACTATTGCGTCCATCAGATCCCAACGCCAGTGAGGTTTTCGTACCGCTGGAAGAAGTCTCAATCAA
GGTTCCTCACTGCTCGTATCATCTTCAAGGGAACCCTAGCCATATCTACCTCATCCACAATGGCAATCACTGGC
AATAACACCAACTAGATTGAGGGAATTCAAAGCAACATAAATATAAGATAAAACGAAATAGAAAAAAGGAA
TTCAAAGCAACAAAAGGGTGTATGATGTAAGGAGATTGTATATGTCGCTAAGGATAGATTT

>trans_s_2812 NM_001060993|Oryza sativa Japonica Group Os05g0113900 (Os05g0113900)
mRNA, complete cds

AAAATCATTTCCGCAACTTCAATCCTTCTCATCGTCATATCCACTCACCCAATTCATTTTCTTCTCACACCCTTT
GATTTTTACGGCCACCCCACTCTAGTTCCGATGGAACCGGCGGCAAGTTGAAGAAGGGAGCTGGTGGAAGA
AAGGGCGGCGGCCCGAAGAAGAAGCCGTTTCGCGTTCGTTAAGGCCGGCCTCCAGTTCCCCGTTGGTAGG
ATCGGTCGATACTTGAAGAATGGCCGATATGCTCGTCGTGTTGGTACTGGAGCACCTGTCTACTTGGCCGCCG
TTCTTGAGTATCTCGCCGCTGAGGTGTTGGAGTTGGCTGGAAATGCCGCCAGAGACAACAAGAAGAACAGAA
TAATTCCTAGACATGTATTGTTGGCCATAAGGAATGATGAAGAACTTGGGAAATTGCTTGCTGGTGTAAACAT
TGCACATGGTGGTGTCTTCCAAACATAAACCCAGTTCTTTGCCAAAGAAAAGTGAGAAAGCAACTACTAAA
GAACCAAAATCTCCATCAAAGGCTCCTAAAGCAACTAAATCTCAAAGAAGGCTTAGGTTTTTCTTTTTACTT
TTTTTTTTCTCCATCTGAAAAAAAACCTTGACTTGTTCTTTGCCATTTGTATGTAGTTTGTGGCTTTTTAGGA
TCTTCTTCTGTGTTGTTTATCAAATGTAAGCTCCAAACTGATGAATTTGATGAATTTGGAGACTCTGTACCT
CCTCATCATCTTGATGATTAACTTTGTATTGGTTATGATTTGTTTAGGCCATCGATTTGCTTCTTCAATCTGCT
AATCTTTGTTTGGTTTAAATGGATGAGGATGGAAGAATGGAGATATTTGGTCAATTGACCT

>trans_s_2813 AY109254|Zea mays PCO099296 mRNA sequence

AGACTTTATTTTCTTCCCAACTCTCGCATTGTTTCTTCTCTTTTCCCCCTTTTCCCTCTCCCCTCTAAATTCATTG
AAGCAATTCCAGGCTGCCGAACAATTTGGGTGAACTCAATTAAAGAACCCATTTCAAAAATGCATTCATTTG
GGTTCAGAGCCAACGCTTGTGACCTTCGCCGCCACCATCTCGCCGTCATTTGTGCTTTGGCTTCCTTTCCG
ATACCCTCAATTCCTTCAACCACTGCACAAGTTCAAGTTCTGAGCATCAATTGGTTTCAAAATCAACCAATG
GAAATGATGAGGTTAGCATGACTTTAAACATATCAGCGGACTTGCAAGTCAATTATTTACGTGGAATACAAAGCA
GGTTTTTGTGTTTCTTGCTGCTGAATATGAAACCCCATCGAACTCCTTGAATCAGATCTCACTTTGGGACGGTA

TCGTACCTTCCAAAGAGATTGCAAAGTTTCAAATCCATACATCAAACAAGTATCGCTTTGTTGATCAGGGAAGC
AATCTGAGAGGTAAAGAGTTTAACTTGACGTTGCATTGGCATGTGATGCCAAAGACAGGCAAGATGTTTCGCA
GATAAATTGGTGATGTCTGGATATCGTTTGCCACAAGAATATAGATGAGAAAATTTCTCCATTGATTGTAATTT
CTGAACATAACCTTACAATAGGCTTTAGCATCAGCAGCTTAATCAACAATATTACAAACACTGAACATTTTCATG
AATGGAATAGGAAGAGGAGGAATTTTGTGTATTCCATTTTTTCATGAATTCGTCAGGGTTTTAAATGAATTGA
GATATGATACAGTTTTGGTTTTATTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2814 NM_124901|Arabidopsis thaliana RAN3 (RAN GTPASE 3); GTP binding / GTPase/
protein binding (RAN3) mRNA, complete cds

TAACTAAATCTATCGCCGATTTCTTCATTCTCTCTCACTCACACCCATTTCCAATTCGACGCATTCCCCATGGCT
TTGCCGGACCAGAAGACTGTTGATTATCCTAGTTTCAAGCTTGTCATTGTTGGTGATGGTGGCACTGGGAAAA
CCACATTTGTGAAAAGACATCTCACAGGGGAGTTTCGAAAAGAAATATGAACCAACCATTGGCGTGGAAGTGC
ACCTTTGGACTTCTTCACAACTGTGGAAAAATTAGGTTTTACTGCTGGGACACTGCTGGGCAGGAGAAGTT
CGGTGGTTTACCGGATGGCTACTACATCCATGGGCAATGTGCAATCATCATGTTTGATGTTACTGCTAGATTGA
CATACAAAAATGTTCTACATGGCATCGTGATCTTGCAGGGTGTGTGAGAATATTCCAATTGTTCTTTGTGGA
AACAAGGTAGATGTGAAAAACAGGCAGGTTAAGGCCAAGCAACTCACATTCCACAGGAAGAAGAACCTACA
GTACTATGAAATATCTGCAAAGAGTAATACTACAATTTTGAAAAACCATTCTCTACTTGGCCAGGAAATTAGCTG
AGGATGCAAACATTCATTTTGTGAGTCTCCTGCCCTTGCTCCTCCAGAAGTACACATTGACTTGGCTGCCAG
CAACAGCATGAAGCTGAATTGGTAGCAGCTGCCAGTCAACCTCTCCTGATGATGATGACGATGCTTTTGACT
AANACTGGTCGATCAACTGGTGATGTTGCCCTTGCGTATCTATTTTAAGTGAGATCTTTTTTCTCCTTGCTAGG
ATTATTAGAAGGGGATAGTGCGCAGGGTATGGGGTGAGGATTGAAAACCTGAAATTTGAGAACGTT

>trans_s_2815 BT024561|Arabidopsis thaliana At5g20935 mRNA, complete cds

ACGATTCCAATGGCTGCTTCTTTTTCTCCTACAACACCAATCTCACGCCCAAGCATTAGAACCCTCACTTCCATC
TCTTCCTTCAACGTTTCCAACAATTGAGCACTCGTTCACAACCCCGGAGCATCGTGAAATGCGAATCCAGTGC
ATCGGCAGCAGACGGCCAGACGCCGCCGGCAAAAAGTCAGAACTCGAGATCGGCTCCCCCGTTATCGTAAT
CGAGGCTCCCAAGATGATAAAGACCGCAGCCTCAGTTCCATGTCTCAGGGTCAATTCCGGCATAATCAACCCC
GGTGACGTCGGCAGAATCGTGTCGAGAAAACCTAAGGACGTGTGGGCCGTGCGGCTTAAAGTCGGGACTTA
CCTCATAGATGGAAGGTATTTTAGAGCATTAGAAGTTCGATCAATAGCTTTAATTTGTCCGGAGGCTCTCAATTT
GAAGGTTCCGAGCTTCCAAATTCACCTTTCATGGCGACTTCGTTGGAATGCGGCGTGTGTTTAAATCCGTTTGT
AAAAAATCATTTCGTTATCGTTGCATGTTGTTTCAGATCATCCTCCGCGTCTCGATCTTGATACAGCAGATCAAA
TGCAACTTAATTAACCATGGATTTAGGAGTCTTGATATTTTATTGCAATCTGTTATGCATCTTCGTGGAATTT
ACGATGAAACTCGAACCCCAATCCCGTTTGATTGTTTCTTACTGCATGTTTCCATTGTATTTTAAGCATGGAT
GTATATTTTGGTTTAAGATATATTTTCGTGCAGGTTGTGAGTTCGGCTCATTTGACCTGTGCAGGACAGCTAGGT
TGTTTCAAATTAGTAAACAATAAAAATAAACCGTCGAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2816 BT014790|Arabidopsis thaliana At5g24600 gene, complete cds

AGTCTTGGGGGGAAGCAAAAAGTTGGTACATTGCAGTTTGAGGAGGTGAGTGAAGAAGGATGGAAGTGAA
AGATCTTGAATTTTTTATGGTTCCACTTGGCTTTGCGGTGCTGGTGAGCTACCATCTTTGGCTGATAATCACCAT
TTACAGAAGGCCTAAAAGAACAGTAATCGGAGTCAACGCTGAGTCTCGCAGACAATGGGTCTCCACCATGATT
TCAGACCCTGCAAAGAATGGTGTTCTTGCTGTTCAAACCATACGAAACAACATCATGGCTTCTACGCTTATGGC
CACGACGACGATCACCATCGGCTCATTGATCAGTGTTTTTGTGAGCAGCACATCAAGTACTGGAAAGTACCGT
TACATTGTATTGTGTTTTCTTGTTGCCTTCTTTGCAATGTGCAGTCTATTAGATACCATGCTCATGCCAGCTTCT
TAGTCACTTTGCCTGATGGTGAAGGAAGAAAAGAGTATCTTGCTGCTATATCGAATCGAGGAAGTTTATTTTG

GTCGCTCGGATTACGAGCTTTCTATTTACAATTCTCTCTTCTCTGGATCTTTGGGCTCTATCAATGTTTGCG
AGTTGTTACCTGATAACATTTGTTCTTTACTTCTTGGACTATACCGGATCTTCCAAGTATGATCCTTATGAATAT
GTACAAAAGGAAGAAGCGAACAACAATGACATTGAATCAGTTGGTCAATCAAGGGGAGTCAATCTTGTCGAA
AACTCCTCCCTTCAATCTCTCTACTTGCAAGTCACAGTATGACTTCCAACCTAAACGGCTCTGCAAAATCAAAAC
TGAAACGCAATTTGCTACAAAGAAGAACATACTTTACTTCTTTCATTTATTTCTTAACATG

>trans_s_2817 EU853460|Cucumis melo var. cantalupensis ribosomal protein L24 mRNA, complete cds

ATTCGCACTCGCACCACTCTCTCAGTCATCGTGCCGTCAGTCTCTCCTAGCCACCGTTCGCGCCGCCGCCGTTCC
CTCTCTCACTCTTAGTCACCGGTTGCCGCTCGCTGACCAACCTGCGTTTCTCTGGATCTCAATTAACCCACTTGT
CTTAGTTTGCTGGAGTAGCTTGTGCAGATATTGGCAGTAGTAGCTTTGGTATTTGCATTTTCATTTAAATGGGTT
GGAAGGCTGCTGAAAAGCTTATTAGGCACTGGAAAATTCTTAGAGGAGATAATGTGATGATCATTAGAGGCA
AGGATAAAGGAGAACTGGTGTAAATTAAGCGTGTTATTCGCACTCAAATCGTGTTATTGTTGAGGGAAAAA
ATCTGGTGAAAAACACATTAAACAAGGACAAGGTCATGAAGGTGGAATCTTTACAGTTGAAGCTCCCTCCA
TGTGTCGAATGTCCAAGTTATTGATCCAGTAACAGGGAAGCCTTGTAAGGTTGGTTATAGATATCTTGAAGAT
GGTCTAAGGTACGAGTTTCAAGAGGATTGGAAGCCTCTGGATCTATAATTCCTCGTCCGGAGATCTTAAAGA
TAAGGACTAGCCCAGACCTACAGTTGCTGGCCCCAAGGATACTCCAATGGATGTGGTGCTGGAGAAAACTT
ATGATCCTAAACAGGGAAGGGCATGCCTGAACTTTAAAGGATACTTTCTCTTCAATTTGGTAGAAATGGTTG
AACTAGGTTGGAAAATGATTTCAGGATCTGAGGATAATATCTTTGTTGTAATGGGTGGCAACTTGTATTTTCATT
CTCCTTTGTCATTCTACTATAATTTTAGATTAATATTTTTGTAAGGTATCCCTTGCTACTTTCAGTAT

>trans_s_2818 AJ242523|Chlamydomonas reinhardtii partial dhc10 gene for 1 beta dynein heavy chain, exons 1-14, and joined CDS

AGATTAAAAAAGAAGAAGAAGAAGAAAAATTCAAAGAAAAAGCTGTATGGTGTATGTTTGTTTACAGTTC
ACTCACATGAAAGATGAAACAAATCTAAAAAGGATCTCCACAACCCCTTTTTTTAGCCTTCTTTTTGGTTTTCT
ATTCAATTCCTATTCCTATTTTCTTTTTTCTTTTTCTTCTTCTTCTTCTCGAAAAATATACGAAGAAACAGT
GAAAAAATAAATACTCAATTTTCTTACAGTTATTACTCATCACTTACTCATTCAATTCATAAATCTAAACAACC
CATTTCTCAAATCCTCTTGGCACTAATGGGTCGCTCTTCTTTCTCTCAATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTAT
TCGCTCTCGGTTTCTAATGGATTTGGAAGAAGGAATTTGAGGATGGTGGTGGAGCCTCTTGATTACATCA
TAACTCCAGACTTCTACTAGAGGAAAATGGAAGAAAATGGAGGATGGTGTATGATGGAGACAATGGATTATGC
AGATCCAGAACCAACACAAACGTAAGAGGTGGCTATGCTTCTCCACCTCCTCAAATCATGGATGAATTTTA
ATTCAATCTCTATAAATTAATAAAGGCTTTTCTTTAATTTTCTATTTTGTGCTCGTGTGTGTGTGTGTGTGT
GGGAATGTTATTTTGTTCATAGTATTTGTTTTGGGAGAGAGGTAGGGAAAGAAGGGTTTATTGATGTTGAATT
ACCTAATTTTATTTTGTAAAGTGGATTTGTTTGTGGTTGGATGTGGATTGATAAATCATGATTTTATTAAAGT
TGCCTTTTTGCTTTTAACTGAAAAAAGATGGGAAAGAAAAGGTTGGTATATGG

>trans_s_2819 NM_118908|Arabidopsis thaliana VPS26B (VACUOLAR PROTEIN SORTING 26B)
(VPS26B) mRNA, complete cds

AGACTATTCAGACTAAATCGTCAGCGCCAGGTGAACAACCATCTCTGGCAACCATCAATCACTTCCGGCGACTT
CCGGCAACGCCAGACTCGGGGCAATAGCTGCTGGATTCAGGCTGATTGCGCCAGGTTTGGGAGCTAAATTTCT
ACTGCCGACCATATGAATTACCTGCTTGGAGCTTTAAGCCATCGTGCAATGTATCAATTGCATTTTCAGATG
GAAAAACACGCAAGCAGGTTCCACTAAAGAAGGAAAAATGGTCAAACAGTTTTGGTTCCCCTCTTCAAAGTCA
AGAGAATATTACTGGGAAGATAACAATAGATCCTCTACAAGGAAAAAAGTTGATCACAATGGTGTAAAATT
GAGCTTCTTGGTCAAATCGAGATGTATTTGATAGAGGCAACTTTTACGACTTTACTTCTTGTTCGTGAATTG

GATGTTCCGGGAGAAATATATGAAAGGAAAACATACCCATTCTGAATTTCTACAGTTGAAATGCCTTATGAGA
CATATAATGGGGTGAATGTGAGGCTGAGGTATGTTCTCAAAGTTACCATCAGTCGTGGGTATGCTGGTAGCAT
TGTGGAATATCAAGACTTTGTGGTTCGCAACTATTCTCCACTCCATCGATTAATAACGGTATCAAGATGGAAG
TCGGAATTGAAGATTGCCTACACATCGAGTTTGAGTATAACAAAAGCAAGTACCATCTCAAAGATGTTATAAT
TGGCAAGATTATTTCTGCTGGTGAGAATTAAGATAAAGAATATGGATCTGGAGATCAGGCGTCGAGAATC
ACAGGATCTGGTGCTAACACTCATGTTGAGACAGAGACACTAGCTAAATATGAGCTGATGGATGGAG

>trans_s_2820 AY056797|Arabidopsis thaliana AT3g25910/MPE11_6 mRNA, complete cds

ATTGCTGAAGAAGCTGCCCTAGATCGAGCTTCCATTGTCTGAGCAATTCATCATCATCGTTTTCTTTCCTTGTTT
CCTTCTTCCCGATTGCGATAAGATTATTTATCTCTTCACTCACAACCTCTCTGGATTCCGTTTCTTTTAATCCCTTTT
CTCTTTGGATTGCTCAGCACTTTAGAGCTCTTTTATCTATTTAGAAGATTCATCATGCCAAAGGAGAGAAGAGA
TCGCTCTGCATCTCATGATAGGTATAGAGCATCTCCATTCAAGTGCAGCTCCAGCCGTCCTATACGATCTTCACC
TAACTGCCATTGGGAAGTGAGGATAATTTGAGAGAGTGGGAAGAAGTTAGATGCCCTGTCTGCATGGAACA
TCCTCATAATGCAGTTCTTCTCATATGTTCTGTCATGAAAAGGGTTGCCGTCCTTACATGTGTGATACTAGTCG
TCGCCACTCAAATTGCCTAGATCAATTCTGCAAGTTGTTTTAGAAAACCTCAACAGTAATGCCAGTGCCAGAAG
ACGTTCAACTCCCAACAGTGAACCTTTCACCAACAATGGAATCTGAGCCCGTGGTTGATGATACACCAGAGGT
TCAAAGTGAGGAGATTGAACCTTTCTATGCACCCTTCATCTTGTGAGAATCAGATGCCTCCAAAGCTGGTATGCC
CTTTATGCCGAGGGAAGATAAAAAAGTGGGTGCTTGATGACCATGCTCGTCAGTTCATGAATGCAAAATCAA
GAAGTTGTTCTGTGAGACATGTAGTTTCAGTGGAACCTATACAGATCTTAGGAAGCATGCAAGGAAGGAGC
ATCCTCTTGTGCGTCCATCTGAAGTAGACCCTGAACGGCAGCATAATTGGAGACGGCTTG

>trans_s_2821 NM_001058381|Oryza sativa Japonica Group Os03g0840200 (Os03g0840200)
mRNA, complete cds

ATACAAAAACCTATACATTATGGACGCGGTGACGGTGAGAGCAAAGGTCTTCGTCGGCTCACAGAGGGCCT
GTGGACAGATACGATGTGCAGTTGGTCGCCGGACGGCGATTGGATCGCATTTTCATCGGACCGGGAGAACCC
TGGTGCTGGAAGCTTCGATCTGTTTTGATCCACCCGAACGGAACCGGGTTGAGGAAGCTGTTTCAAAGCGGT
TTGGGGGGTTCGGGCGAACCCACCCGAATTGGCGTCCGGATGGGAAAGCTCTAGTGTTCACTACGGACAATGCG
GGGATATCTGCGGAGCCGGTTTCAAATCCACATCACTATCAGCCCTACGGCGAGATCTACACTATTAATTTGG
ACGGCTCTGATCTTCAGAGGCTGACTCATAACTCCTATGAGGATGGGACCCCTACGTGGAGTCCACGTTATAT
CAACCCAGTTAACGTGGAGAATTTATATGACGTGGAACCCCTGTGGCTTTGAAGATTGTCACTGGCTTAACCAA
AATAACAGGGCCATAATGATATTAGGCCCGTCTTAACCTGGGCCTCGATGTAGCCATAAAACATCAGCTGGC
CCTACAAGCCCAAAACCCATCCCTAAATAATGCCCAATCATGGTGTCTGGCTTATTTACTATAGTGTATATAA
AGTGTAATTGAGTTAATTGATAGCATAGCTACACTACCATAGAGTTTGTACTATATTATTAACCTTTAAAGTTTGA
TCTCTCTCCTGTATGTCAATATGTATATATATATATATATTAGGTACCTAACGGTTGCTTTCTTCTCCTCATTTT
TGTGTACATAATCAGGGAATGTTAAGATATATTTGAGCTGTTTGACTTGCTAACAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2822 AY104615|Zea mays PCO111783 mRNA sequence

ATCTCCCTCTCAGACTATTGACCTTAATAGCATAGAGAAAAGGTTGCCACTGACTGCTGATAGCTTAGATTCCA
GAGGCCTGTACTTGTATGACGACGGCTTTCGCTTTATTGTTTGGTTTGGTAGAGTGCTTTCGCCGGATGTGTCT
ATGAATTTACTTGGGGCAGACTTTGCAACAGAACTATCAAAGGTTATCCTGAGTGATCATGATAATGTAATGT
CAAGAAAACCTATTAGAGACGCTCCAGAAATTTAGAGAAAACCTGACCCTTCATACTATCAGCTATCTCATCTTGTT
AGACAAGGCGAACAACTAGAGAAGGCTTCTCCTCCTAGCAAATCTTGTTGAGGACCAAGTGGGTGGTACA
AATGGTTATGTTGATTGGCTTCTACAAATACACCGGCAAGTTCAGCAAAATGCTTAATACAAGTTTTAAATCTA
GCAGGACAGAGTTTTGGCATAAAGAAGCCCGTTGTCTCGGAAACAATGGAAGATTTTACTGAAGGCCATGAG

GGGGATTGAGCTTCAACAACCTGGCTCCAGGAAGCAACGTGGATTCTGATTCGGCTCTTCATAAATTTGTTACCA
GATAGATTAATTTTTTTTTGTCTTTAACAATAATTTTTCCCTTCTTGAGAGGTTGTCACGATTATAGGGATATC
TAAATCAGATGTTACTTTCTATTTCTATATTATGTTGTCTATATCTACCCCCCCCCCCCCCTAGATTTGGGTAG
AATTGTTGCAAAAGCTTTGGATTTGTTTGGTTATACAACCTTAATTTTGTCTGGTTATTGAGGTGGTTATTTG
AAGGAAGTTGTGTAATTTTACAACCTGGAACCTATTATTATTATATTCATATTTAT

>trans_s_2823 NM_001036313|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S25 (RPS25B)
(AT2G21580) mRNA, complete cds

CCCTTCCAGCCGAAGCCCTTGGAACCTTTCACTCAAACCTAGAAACCAAATCTCATGGCGCCGAAGAAGGA
CAAGGCTCCTCCACCGTCTCTAAGCCTGCTAAATCTGGCGGAGGAAAGCAGAAGAAGAAGAAATGGAGCAA
GGGTAAGCAAAAGGAGAAGGTGAACAACATGTTTTGTTTGATCAGGGGACTTATGATAAGCTCCTTTCTGA
AGTTCCCAAGTACAAGCTAGTCACTCCGTCTATCCTTTCTGATAGATTGAGGATCAATGGATCATTAGCACGAA
GAGCAATTAAGGATTTGATGGCTCGAGGTTCCATCAGAATGATATCGGCTCACTCGAGTCAGCAGATCTACAC
CAGAGCAACCAACACCTAAGGACAACAATTCATTTCACTTATGCCCGAGAGGGTATATAATAGATATGTAGTT
GCCTTTCCATTTTGCAAGTCCAAATTTTGTGAGTGATCAAATTATCATTTTAGTTTGTTAACGGCAGAATGAAC
TCTAAAAGAGACGTTTTTAATTTGTTAATGTGCACGAATTTGTTTGCGGTGCGGGTCTTAACCTGTGTGATGAA
TTGTGTGCGATTGGCTGTTGTCTGCCTTTTCTCTTCTACTGCCAAGTACTAATCATAATGTTTGTATGTAGAAT
CTCGTTTTAGATGAAAAGTTGGTAATCTAACGTGGCTTTGACATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTACTAAACCCCCACCCCCGGGGGGG

>trans_s_2824 NM_202546|Arabidopsis thaliana reticulon family protein (AT3G10915) mRNA,
complete cds

GGAATGCTTTGAATTTGGAAGTTAAAAATTCTTCAATTGCGTGAAATCCATTTCCATCTTGCCTTCGGATTTG
TCGATCATACAAAAACAAAACCCCAACTCTTCTCCACCTTCAATTTTGACTCTAAACCTCCACAATTCTGTCTG
ACCGGACCCGACCAATTGATAACTGCAATGGTCGATCTTTCGATACAGCTGCCGGAAACGTTGAAGCTGACG
GGAAAGACATACCCTGCACCTCATGTGACCGCCAACTCTACTCCACCAGTCCATGGGCGGCGGTAAAGCGG
CTGATATTCTTCTGTGGAACAGTGGCATGTTTCTTTCGGCATTATTGTTGTTTCTACGGTATTTTGGCTTCTAA
TTGAGCACTCTGGATTGCCATTGTTGACAACATGTTCCGATGTCTTGCTGATTTTGGTTGCTCTATTGTTTCTTC
GTGCCAACTACGCTGCATTCCGAAACAAGCAACTTCAAACATTACCGCAGCTGGTACTGTCGGAGGAGTTTGT
CAACAACGTAGCAGCATCGCTTCGGGCGAAAATCAATAACACGTTACTTATGGCTCATGATATCACACTTGGC
AATGATTTCAAACCTTTTTTTCAGGATGGTGATCGGTTTGTGGCTTTTATCCGTCGTTGGTAGCTACGTTTCTTC
TTCACCTTTGCATATATTGGAACAATCATCTCAATAACCATCCCTGCTTTGTACAGCAAATACGATAAACATGTT
GACAGATACTGCGGAATGATCCGCCAAACATTTACAAAGCATTATCGAGTGATGGATGAGAGTGTTTTTCAGCA
GACTCCCTGGTAATTTATCCAAGGATAAAAATCAATGAAAAAATCTGCCCCTTAATTTT

>trans_s_2825 NM_100939|Arabidopsis thaliana ATARFA1F (ARABIDOPSIS THALIANA ADP-
RIBOSYLATION FACTOR A1F); GTP binding / copper ion binding / phospholipase activator/ prote>
(ATARFA1F) mRNA, complete cds

CTCTAGCGCCATATTACGCGTTGTTCTGAAGGTCCTCCATTTTTCTTGCTCTCTCCATCCCCTTCAATACACCTCC
GTGCAGCTCTCAGAGAAAAGAAGGAACCTCCGAGTTACGAAAAGAGATGGGGCTCACCTTCGAAAGCTCCT
CAGCCGGCTGTTTGCTAAAAAAGAGATGAGAATTCTGATGGTTGGTCTTGATGCCGCTGGTAAGACGACCATT
CTCTATAAACTCAAGCTTGGAGAGATCGTCACAACCTATTCTACCATCGGGTTAACGTGGAGACGGTGGAAT
ATAAGAACATCAGCTTCACTGTCTGGGATGTCGGTGGTCAGGACAAAATTCGTCCATTGTGGAGGCACTATTT

CCAGAACTCAAGGTCTTATATTTGTGGTGGACAGTAACGATAGAGACCGTGTTGTTGAGGCAAGAGATGA
GTTGCATAGAATGTTGAATGAGGATGAGCTTCGAGATGCAGTACTACTGGTGTTTGCTAATAACAAGATCTT
CCCAATGCAATGAATGCCGCTGAGATTACAGATAAGCTTGGTCTTCATTCTCTTCGGCAGCGCCACTGGTATAT
CCAGAGCACTTGTGCAACCTCCGGGGAAGGGCTTTATGAGGGATTAGATTGGCTTTCAAACAACATTGCTAAC
AAGGCATAAAAGCTGTAAAAAGAGTTGTCTTGTGCTGACTGGCAATCCCGGATGCAGGGATGGACGTTATCTAC
TTTTCTTGTTTTTTGGGGATTAGTATTTTCATGCCTTTCTTTAGGGATTGATCTTTCGTAGTGGTGTGCGGTCTA
TGGTCATTATTGTAATGGTTGTTTCGTGTACTCACCTGAGCTTGTGTGTTTAATGAGATGATGTAAT

>trans_s_2826 XM_002890139|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase/ transcriptional repressor, mRNA

AAGGGTTGGGATGTTGCGCAAGGAACCTTACTTCCAGGATGTTGTGGCTGCTAAGTATGATGGAGGCATGGAT
GCAAAATTTGAATATACCGAACTGGAGAAGCTGTCTTCTCAGGATATGTTTTACGAGGGGAGGATATGTTG
AGTTGTCAACAAAGCTTTCCTTTCTACTGGGATCGACTCTTGACAGATATGAGGGGATTATTCTTTCAGTTGGA
GGGAATGGAAGGTCTTATGTGTTAATCCTTGAAGCTGGTCTTCCGCCGATACAACCTCAAAGTAACTATATTT
CTCAAGATTTAGTACAAAAGCTGGATTTTGCAGGGTCAGGATACCTTTTTCATCCTTCCGCCCAGTAAAATCTT
ATGATCCTCCTCTAGATCCATTTCTTGTGCATACATTGACCATTGTTTTGAGCCCAGGAGACAGAGACCTGTT
GAAGGACCTGCAGCCGGTGTAAGCAGCAAGACTTGAGAAGCTTTAAGCTCATATTGGAGTACATAAAAGCC
TTGCCTACTGGGCAAGAGACAGACTTCATCTTGGTTTCATGTACAGGATCTGGTGTAGAACCTACCAGAAGAG
AGCAGGTTCTCAAGGCAAAAAGGGCTGGGGAAGATTCATTGAGAAGATCAGGCCTCGGGTACACAATTATCC
GTCCTGGTCCCCTCAAGGAAGAACCTGGTGGCCAACGTGCCCTCATATTTGATCAGGGAAACAGGATAACTCA
GGCCATAAGCTGTGCTGATGTTGCTGACATCTGTGTAAGCGTTGCATGATTCTACAGCAAGAAACAAAAGC
TTTGATGTTTGCTATGAATATGTTGCTGAGCAAGGAAGAGACTCTATGAGCTGGTAGCTCACTTGCCTG

>trans_s_2827 NM_115533|Arabidopsis thaliana ubiquitin-associated (UBA)/TS-N domain-containing protein (AT3G56740) mRNA, complete cds

AAGACGACAAATCGAAATCAAAATCAAATAGATAAAGAAAGAAGAAGGCTGTGACCGTCTCAGAGAATCGTT
CCTTCCTCTCTGAGACGATGAACGGCGGCCCTCCGGTTCAACAATGCTCCCGTCACCCGGACCTTCATCATC
GCCTCCGCTCTTTTCACCATTTTCTTCGGGATCCAAGGCCGTTCAATTAAGCTTGGTTTGCCTATCAGGATGTG
ATTGTGAAGCTCCGATTCTGGAAGTTAGTAATGTCAGTTTTTGCTTTTCGTCTACTCCTGAATTGATGTTCCGA
CTGTTTCTGCTATATTACTTCAGAGTATTTGAGAGACAAATAGGTTCCAACAATACTCGGTCTTTATATTGTTT
TCAATAATATCCTCCTTACTTTTTGAGGTCCTTGCATATCATTACTTAAAGATCCTGCAGCAAATCTAGTGACT
TCTGGACCTTATGGTCTTTTGTTTGCTTCCTTTGTACCCTTCTTCTTTGATATTCCTGTTTCAACTCGGTTCCGTGT
ATTTGGAGTTCGTTTCTCTGACAAGTCTTTCATATATCTGGCTGGTCTTCAGCTCCTTCTGTCTTCGTGGAGAAG
ATCCATCTTACCAGGGATATGCGGAATTCTTGCTGGTTCTTATATCGGTTGAATGTATTTGGCATCCGCAAGG
CCAAGTTTCCAGATTTTATCAGTTCATTCTTTCAAGACTTTCTTTGCCATCTGCGGGGAATCCTCCAGCAGCCC
CAAACAGAGATGTTAGAGGAAACATGCCATCCTTCATGAGCCGCCCGGTTGAGAGGAACTATCCTTCGGCGC
CCAGTGCCACAGAACCACCAGAGACGCCATTGCTACACTTTGTTCAATGGGGGT

>trans_s_2828 XM_002887770|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AGACATCCTCTAATGGTAGTTGGTACTGCAGATAGAAATCTCATAGTATTTAACTTGCAAACTCCTCAGAGTGA
ATTTAAGGGAATTGTTTACCCTTGAAGTATCAAACAAGATGTGTAGCCGCCTTTCCTGATCAGCAAGGTTTCT
TGTTTGGTTCAATAGAGGGAAGGGTTGGTGTCCATCACCTGACGAGTCTATGGCAAATAAGAACTTCACTTT
CAAGTGCCACAGGGATGGGTCTGAGATATATTCTGTCAACTCCTTGAACCTCCATCCTGTGCATCACACTTTTG
CAACTGCAGGGTCGGATGGTGCTTTTAATTTCTGGGACAAGGATAGCAAGCAGAGGCTGAAGGCAATGTCAC

GGTGTAGTCAGCCATAAGTTGTAGCACTTTCAACCAGGATGGGTCGATATTTGCATATTCAGTGTGCTACGA
TTGGAGTAAAGGGGCAGAAAATCACAACCCAGCAACAGCAAAGACTTACATCTACTTGCACCTTCCACAGGA
GGTTGAGGTTAAAGGCAAGCCACGAGTTGGGGGCGGGGAAGAAAGTGATACCTGTCTAATCGATTACATT
GTTTCATCATTGTTCTCTAATGTCAAATTACTAATAGGGTTTAACTAAGTTTGCAAAAATGTTGAATATATTTT
GTTTAGAATGTAGACTATCTTTTTGTATGATTGGCGATTGGCAACTATCGAGTTTCAAATACTAGAGAGAGA
TCTACAGATGGATTTCTTTGCCATGAGATTGTTATTTCTGTACCAAATTGTTGCAAGTGATGAATGTCTTTTG
GGAAATTGAACAATTTTAGTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2829 AF411796|Arabidopsis thaliana AT3g62580/T12C14_280 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTGGTATCAATACAACACCTTTATTTCCCACTTTTTCTTCATCAAACCATCCAACGATATATG
TTTAGTCAAGCAGAGAAAGAGCACTTGAGCAATTGCTTAATGGATGTAAACTACAGTCATACACTTAAAAGG
GGAAGGAGAACATTTTGAGTTACAGATTAAGTTTACCTGCCAGATACCAGGAGTGCATTGCAAGACTACCAAA
TGCTAGGATATTAGCAAGAGAAGACAAGCCATGAATCATCCCAAATTTCTTGTTTCATTGCTGCAAGCTTTGGGT
TCACTTTTGCAACTTCTACATTTTGGACCATCCAACCTCCTCGCCAATGTTACTTTCCCTCTCCACTTTGTGTCTT
TGTTTCATCAGCTCAATTGTCATAGGTGTGAAGACAAACAGGTTGGCCAAATTTAAAAGCAAACGCCGATATCA
AAAACCCAAGCTGGTACCTCTCAGAAGTTTCTGCAGACTTCCATGGATGAAGATAGGCAAAAGCTGCAACGG
ATGTGGCACAGCAAATCCCAACCATAGAGAAGTAGGCAGGGAACATCTTGCTTTGAAGATTACCAAATTGTCT
CGGCAGATTCTTGAACATGATGATGCCGCCGATGAAGGTGGCCCATAGAGAGGCGCCCCAAGCGGTGGAGT
AGCTGAGAAGATGAGCTAATTTGAGATACATGGAAAGCTTGGGCGCATTGAAGGTTTTGGAGTTGGATCCGA
AGGTCTCCGCGCAAAATACTACTCCCATGGCGAGAAAAACCACCGCCGTTAGGAACCGGGTCGACCACGCCA
TTTCTCTCTCGGTCTCTTCAGTCGATTTGTGTATAGAAGGAAATTGAAATTGAAGAAGAACTGAGC

>trans_s_2830 NM_125783|Arabidopsis thaliana VPS20.1 (VPS20.1) mRNA, complete cds

ATTTTACGAAAATCTCATCAGTAACCTCCTTCTATTGTTTTTCATCAAAAGACCAAAAATTCTCTCTTTCTCTC
AATTTAGTTGCTACTACCGTGATTCTCCATCCGTCAAAGGAATCAAAGACGAAGAATGAGGGATTGACGGAT
CTGTGCTGTTCAATCCCTCTGCTAAGACAATCAATCATATTCCTAAGTTGAAGAAAAACGTTGTGATCGACAA
TCCAATTGGGAGAAGTAGATGGGGAATTTATTCGTCAAGAAGCCCAAAGTCACCGATGTTGATAAAGCCATTC
TCTCTCTCAAGACGCAGAGACGCAAACTCGGTCAATACCAACAGCAGCTTGATGCTGTCATTGAAGCAGAAAA
GAATGCTGCAAGAGAGTTAGTTTCGACAAAAGAAAAAGATCGGGCCTTGTTAGCTTTGAAGAAGAAAAAGGC
ACAAGAAGAATTACTAAAGCATGTTGATGCCTGGCTGATTAATGTTGAGCAACAATTGTCAGATATTGAATTG
GCCAGCAAACAGAAAGCTGTTTTTGAAGTTTGAAGGCTGGTAATAATGCGATCAAAGCTATACAAAGTGAA
ATTAACATTGATGATGTCCAAAAGCTGATGGATGATACTGCTGAAGCTAAAGCATATCAAGATGAAATTAATG
CCATCTTGGGTGAGAAATTATCAGAAGAAGATGAGGAGCAAATCTTAGCAGAATTTGAGAGCTTGGAAAGCTC
AGCTCACTGTTGAAGATCTGCCTGAGGTCCCAACTCCGAAGAAAAAGAGGAAAAAGTTGGATCTTCCCGAGG
TGCCATCCAAGAAACCTGTTGCAGCTGATGCCATTGAAGAAGATGCTGAAACTGTATCATCTGATGCATC

>trans_s_2831 BT029518|Arabidopsis thaliana At3g25890 mRNA, complete cds

TTCACAGATTTGGGAGAAAATCAACACACAGAGAAAAGAAGAGAGACGGGAGAGAGAGTTTGAGGGTAAG
GCTCTGTGTTGTTGGAGAGCCAAGAATTCACAACAGAATCCAACCTCACACACACCCCTCAAAGCAAATTACTC
TCTCAAATCTTCAAAGAATTTGTGTTCTCTCTCCTCTGTGCGACGTTGATAAGAAAACTCACAAAAGGGGGTTT
AGCGGAGGGATTTATGTCTTCTGAGCTTCATCTGTTTTCTGGAGCTTTGAAGCAGCTCTGGTTTTCTTCTTCGTC
TCTGTTTTTTGTACTTCACATGCAATTTGGTTCCTGGCCACAACAAAGTTTTTCGACCCTTTTTCATGCAATTAAG
ATCAAATCGGTCTTGTTCTGGGGTGAAGGGTTTTAGGATTCTATCAGATATCATATTCTTTTTCAATTTTGGT
TCATTTTTGTTTCAGTGTTTCGGGTTTTCGTTGACATTAAAGATCGCCTAAAGCTTCTCTGCCTTCCATTTCTCT

CCCCTTCACCTTCTCAATTTTTCATCCTTTTTCGTAAACAAGTTTTGCCCTCGTTTCTATATTCATTATAGTTTGA
GGATTTGACCACAAAACGTCCGGATTCTGAAGGTAGTTTTCAATTCGAGATATGTATGGTAAAGAAGAGAAG
AAAATGAAGCAATTAAGAAGGAAAGTCCATTTCTATGAGGAAAATTCGTGTACTGTTTCATGATCCTGATG
CCACAGACTACTCAAGCGAAGAAGATGAGCATGTCAGTCAGGGGGCTAAGAAGATTGTCTGGGAGATACCG
ATTCCAGACATTCACCGAAAGCCATCGGAGGTGAGCTCACAGAAAGAAAGGGCTGATAGAG

>trans_s_2832 M16057|Cucumber LHCP mRNA encoding chlorophyll a/b-binding protein, partial
cds

ATTAAGTACCCAAAAAATACAAAACAGGGTTAATACAAATGATTGACAAGAGACTGCAAAGCAGCAAAAGAA
CTAACAAAAAGGAAAATGTGATTTTAACAGTCCTATATTTCCATTGCTCCCATTTCCAAGTTGGCACAGAAATT
CAAGCAAAGCCTCGTGCCGAATTCGGCACGAGGCTTTGGTGAAGCAGTTTGGTTCAAGGCTGGTTCACAAATC
TTTAGTGAGGGTGGCCTAGACTATCTTGAAACCCAAGTCTTATTCATGCACAGAGCATTTTGGCAATTTGGG
CATCTCAACTAGTGTTAATGGGTGCTGTTGAAGGTTACCGTATTGCCGGAGGACCACTTGGAGAGATTACCGA
TCCCATCTACCCAGGTGGTAGCTTTGATCCCTTGGGTGGCTGATGATCCAGAGGCATTTGCAGAACTTAAG
GTGAAAGAACTTAAGAATGGTCGTCTTGCAATGTTTTCCATGTTTGGGTTTTTCGTACAGGCCATTGTAACAGG
AAAAGTCCCTTGGAGAACCTTGACAGCATCTTGCTGATCCTGTCAACAACAATGCATGGGCTTATGCTACCA
ACTTTGTACCTGGAAAGTGAAATTACTATGTAATGTTCAAACAAGCTTTCAATTTCACTACGGTGTTAGCTTGTC
GAGCGGCCGCCGGGCAGGTACTGCCACAGCCGGATCTGACGGTGGGGATAAAATCGCACACAGATCCTG
GAGTTTTGACCGTTCTGCTGCAGGATCATATCGGCGGTTTGAGATAAGGCACGGCGGTGGTTGGGTGGATG
TTGAGCCCGTCCCGGTGCTCTTGTTATCAATATCGGTGACTTGCTTCAGATCGCGTCAATGATGTGT

>trans_s_2833 NM_001112324|Zea mays alkaline alpha galactosidase 2 (AGA2),
mRNA gb|AF497511.2| Zea mays alkaline alpha galactosidase 2 mRNA, complete cds

ATATGGAATTTGAACAAATTCACCGGTGTCGTCGGCATCTACAATTGCCAAGGTGCTGCCTGGAACAGCCAAG
AAAGAAAGAACACATTCCACGACACCAACTCCGATGCCATCACTGGTTACGTCAAAGGCCGCGACGTTACCGC
CATTTCTGAAGTCGCAGCGGATCCCAACTGGAACGGAGACTGCGCTTTCTACCGCCATCGCTCTGGCGACCTC
ATCACTCTTCATACAATTCAGCGCTTCCTGTTTCTCTTAAAGTTCTCGAATTCGACATCTTCACCATCACTCCGA
TTAAAGTTTTGGCCCCGGGCTTCAGCTTCGCTCCCCTCGGGCCATTGACATGTACAATTCTGGTGGGGCAATC
GAAGGGTTGAAATATGAAGTGAAAGGTGGAGCCGAGCTTGTGGAGGTTGATGGCACATCAGAAGGAACCGA
GGCAGCTGGTGAGCGGGCGGAAAATCGGAGCTCCGAGTTGGTTGGAATTGTTCACTTGAAGTGAAAGGGT
GTGGGAAGTTTGGGGCTTACTCATCGGCGAAGCCACGACGGTGCATTGTGGATTCAAGTGTTGTAGAATTTG
GTTATGATTCCGAGTCAGGTTTGTGACTTTAGGAATTGACAAATTACCAGAAGGTGATCTTAAATATCACGA
CATTAAATTTGAGTTATGAATTTTATGTTTTGTTAAGGATCGTATAATTAGGTGCCGATTATAGGCAAAAATAT
TTAGGTGCCGTTATAGGCAAGTATTCTCCCTTTGTTTTGGGTAGAGAATCTTGTAATGTTTATCATGTGTGC
ATTTGAATCTAAATAAATTTTCTTTACCTTATTTATCACTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2834 NM_115553|Arabidopsis thaliana CRD1 (COPPER RESPONSE DEFECT 1); DNA binding
/ magnesium-protoporphyrin IX monomethyl ester (oxidative) cyclase (CRD1) mRNA, complete cds

ATTCTCTTACTCCAAATTCACCGCCATTAAATGTCTGCAACTTCCTCTCAATCGCCTCCCAAGCCTTCTAAGAA
CGCCAACAAGGCTGCGATTAGGGAGACGCTTCTCACTCCTAGGTTCTACACCACTGATTTTGATGAGATGGAG
ACGCTTTTCAATACTGAAATCAACAAGAATTTGAACCAAGCTGAGTTTGAGGCTTTGCTCCAGGAGTTCAAAA
GAGATTATAATCAGACTCATTTTGTGAGGAATAAGGAGTTTAAGGAAGCTGCTGATAAAATGCAAGGAGCTC
TTAGAGATATTTTGTGAGTTTCTTGAGAGGTCTTGTAAGTCTGAGTTCTCTGGGTTTCTTCTATAAAGAGC
TGGAAGGAGGCTTAAGAAAACCAATCCAGTGGTGGCTGAGATTTTCTCTCTGATGTCCAGGGATGAAGCCA

GGCATGCTGGGTTTTGAACAAGGGCCTATCAGATTTCAACTTGGCATTGGACTTGGGATTCCTGACAAAGGC
TAGAAAATACACATTTTTCAAGCCAAAGTTCATCTTCTATGCTACATACTTATCTGAAAAAATTGGATACTGGC
GATACATAACCATTTACAGACATCTCAAAGCCAACCCTGAGTTCCAATGCTATCCCATTTTCAAGTACTTTGAA
ATTGGTGTGAGGATGAGAACAGGCACGGTGATTTCTTCTCTGCATTGCTCAAGGCACAGCCTCAGTTCCTCAAT
GACTGGAAGGCTAAGTTGTGGTCTCGATTCTTCTGCTTATCGGTGTATGTGACAATGTATCTCAATGACTGCCA
AAGAACAGCATTCTATGAAGGAATTGGACTTAACACTAAAGAATTTTTGATGCATGTAATCAT

>trans_s_2835 EU714073|Thellungiella halophila ST45-109 mRNA, complete cds

AATTAGGGTTTAATATAAAGAGTGGAAACTCCCGTATCATTTTTTTTACGCCCCATTCTGCTATCAGAGCATC
GGTGAGACAAAGCCCTAACCGCAATCAGACTCACTTCGAGATCTCTTTTTTTCATCTATTTGTATCGTTGTTCAA
GTGCCAGAAAAAGACGATGGCGGCGGTTCCAGGACAACTAATTTGGGAGATTGTGAAGAGGAACAACCTCTT
TTTGGTGAAGGAGTTTGAAGGGGAACAGCCGGTGTTTCAGTTCAGCAAAGAGCCCCAACAAATTTATACAATCT
GAACTCCTACAAGCATTCTGGTTTGGCCAACAAGAAAACCTGTCACAATTCAGCCTGGAGGGCAAAGATCAATCC
ATTTTGCTTGCAACAACCAAGAGCAAGAAACAGAACAAACCTTCTTCATTGCTTCATAAATCTTTGATGAAGAA
AGAGTTCGTCGGATGGCAAAAGCTGTAACAAACCAGGTGGCAGACAACCTACTACAGGCCAGATCTGAAGAA
GGCTGCCTTGGCAAGATTGAGTGCTGTAAACAGGAGCCTCAAGGTTGCTAAGTCTGGTGTTAAGAAGAGGAA
CAGGCAAGCTTTGAAATCAAAGAAGTGAGATTTAGGAGAATGATAAATGAGATTTTCGTTTGCCATTGTGTT
TTATGTTGGTTGGGATGTCAACTTTTCTAGTTCAGTTTGAATCTGAAGAATAGTCTTGCTATAGATGTTTTTT
TTGCTGCGTTTTGCATTATCATATGATTATTTTCTTGATGTGATGAACCTTTGGAACGGAATCTTATGACTTGGT
TTCGATATGTGTTATTTTAGTTTGTAGTTGAGAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2836 DQ395330|Cucumis sativus alkaline alpha galactosidase (AGA2) mRNA, complete cds

GAAAAGCATATTTATTATGACAAGTAGAGAATTAGATTACAACATTAATGACAGATGTTGGTTGCTGCAATAC
ACCCTTAAATTTAAATTTATGGCCTCCACCATACACATTCATTGCTCAAATCCTAATTAATTCCTCCTTACT
ACCACCTCTCTCTCCAATTATTAATGATATGGTCGCATTGATAATAATGAAATTTGAACATAACAACATTCA
CTTAAACTTGAATTTCAATGTTCCATCTATACATTTCTCCGTCGGGATAGGAATTTGAAGGTGACTAACCCTG
TGACCTCGTCGTACACAAAGTCGACATCGACCTTGCCACACTGCATTCAGAGGACGTTGGGACGAGTATAG
ACCAAACCTTCCGCATCTCGGGCTTTCATGGTGATAGTAGCTGTCGGAGGTCGATCATCGGGGAGAGAACAT
GTTAGCTCAGAAGCAACTTCACCATCGAACTCTGGTATTGGTTCGACCACTTGACATTAACCTGCTCGACAGC
ACCACCGGTGTTGAACATGTCAAGTAGACCAATTGGTGCAAATGAGATGTTGATGCGATGTCCTTCAGAGGA
GAAATATGGAAAAGATCATATTCCAAGACTTTCAGGGTAACTGGAAGTGAAGCACCTTTTGGCAATCGAATCA
AATCCCCTGATCGATAGGCATAAACAATAGTATCACCTTCCAATCGGCACCTGCAACTTGCGAAATAGCATCA
ACATCACCTGCACGGACAGACGTAGTGAGTGTACCCGGAGACTCGTCGTGAATGCGAGTTTTCTTTGTGATCC
TGCACCAACCGGCACCTTGGCAATTGAATACTCCAACACACCAGAACATTTGTTTCATATA

>trans_s_2837 NM_129901|Arabidopsis thaliana ETFQO (electron-transfer flavoprotein:ubiquinone oxidoreductase); catalytic/ electron carrier/ electron-transferring-flavoprot> (ETFQO) mRNA, complete cds

AATGTTCAATCCAATTTCAATTCTCAGAGTTCTTCGTTGATCCCACCGGTGCTTCAACAATCATGCCTCAATTC
GTTTTACATTTCCAAATTCAAATCTCCTAAGAGATCACTTCTACTTCATCTTCATCTTCTCCATTTATTACCTA
CGCGCCAATGCCTCAACTTCTCCACCTCAATTCTCATCTTTCATCTCCAAATTTACTCAAAGACAGCCTAATGTG
GCAAATCCTTCAAAATTTCCATCTGGGTATTTCTCACATTGTATCAGCATCGATATTCCAGCTTCTCCGGGTGC
CATGGTGAATTTAACCCCGTTTTTACTAATGGGAATCGGCTGAAATACTATAGTTTAAGAGGTTACAAAAGAG

>trans_s_2838 NM_001057036|Oryza sativa Japonica Group Os03g0565500 (Os03g0565500)
mRNA, complete cds

>trans_s_2839 AY292386|Cucumis melo var. reticulatus cultivar Mashadi profilin (Cuc m2) mRNA, complete cds; alternatively polyadenylated 2

>trans s 2840 NM 113822|Arabidopsis thaliana catalytic (AT3G29010) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTGGCTCTCCGGCCCTATTCTGCACCGGGAGATCCTTTCAGGTCAACCGGTTCTTTAACTAATAGTT
TTCTGTAAAGCTACTCGTTTGCTCAGAAACAGATTATTCTTCTAGCTCGATCATCAAATCGATTGTTTGTTGC
TGAAAATGTATATTTCTCTCTGTTAATAGATCGGGTCTGGTCAATTTATGGAAGGGATCTGTCCTTCTGATTG
CTGGGAGTTATTTTCTAGTATGATGATGTGACTACTACAACTCAACCTGCTCTTGTTGGAGTTATGGCACT
TAATTGAAGTCGACTTCTTTTTCGGAAGTAGGAGAAAAAAGGAGCTGATTTTCAAATCTTGGCTTTTCAATG

ACGATGTATCAAACAAGAAACATTGGACATCCTTTGATGAATCTTGTGAGGTTGAAAGGTTTTCTATTCTGCA
GCAACTACATTTGGAAGAGCGCCTACTTCGAAACTCATCAGATAATTGGTGTATCATAAATGATGGAACAGAT
AATCCAACATTGTGATGGGCGTTTCTGGGAAACCTGATGAGCTCCTTGACATCAAACTGTGTTAGGAGATC
AAATTCCAGTCATCAGAAGGTTCACTGGGGGTGGAAGTGTATTGTTGATCACAACACGGTCTTTGTCACCTTC
ATATGTAGTAAAGATGCTGTTTCCGGAAGTGAAGCCATTTCTCAACCTATCATGTCCTGGAGTAGTCTATTATA
TAATAAAGTATTCCAAGGAACTGATTTTTATCTTCAAGAAAATGATTATGTCTTTGGTAACCGCAAGTTTGGTG
GCAATGCTCAGTCTATTACTAAAAGCCGGTGGATCCACCATACATCTTTTCTGTGGG

>trans_s_2841 AY338256|Pyrus pyrifolia synptobrevin-related protein mRNA, partial cds

AAAGCCTTCATTTTCTCTCCCATTTTTTCCCTCTCTCTTTCTCTCTATTTCTCCCCCTGTTCCAATTAGGGCAAT
ATTCATCTTCTTCCATGGGGCAGCAATCCTTGATCTACAGTTTCGTTGCGCGTGGAAGTGAATTCTCGCTGAG
TATACAGAATTCACCGGCAATTTCAACCACTATAGCCTCCAGTGCCTTCACAACTTCCCGCCACCAACAATAA
GTTCACTTACAATTGCGATGGCCACACCTTCAACTATCTTGTGCGACAATGGATTCACTTACTGTGTGGTTGCAG
TTGAGGCTGCTGGCCGACAGATCCCTATTGCATTCCTGAACGAGTTAATGAAGACTTTGTGAAGAGATATGG
AGGTGGAAAGGCCATGACAGCAACTGCTAATAGCTTGAACAAAGAATTTGGGTCTAACTGAAGGAGCATAT
GAAGTATTGTGTGGAGCACCCAGAGGAGATCAGTAAGCTTGCCAAAGTGAAGACAGGTTTCTGAAGTGAA
AGGAGTGATGATGGAAAACATTGAGAAGGTTCTTGATCGTGGAGAGAAGATTGAGCTTCTAGTCGATAAGAC
AGAAAACCTTCGATCTCAGGCACAAGATTTTAGGCAGCAAGGAACGAAAATGAGGAGAAAGATGTGGTATCA
GAACATGAAGATAAAGCTGATAGTTCTTGCAATCGTACTGGCGTTGATTCTGATTATCATTTTGTCTGTGTGCG
GCGGCTTCAATTGTTGATGGATTCTTGTGGCAGCAACATTAGGATTGGTGATGGGATCAATATTACTCGGACA
GTTTCTTCATACATGCTTGTTTATTGTACAAATCTTTCAGTTCCAAGTCCACTTAACCATACGTT

>trans_s_2842 NM_001051504|Oryza sativa Japonica Group Os01g0876400 (Os01g0876400)
mRNA, partial cds

TGTGCAAAAATAATCTAAAAATAGCAAATGATGAAAAAATTAGACACACAAGAAAAACCACTATTCCTTGTTTT
CAAGAGAAGTCTGATTCTTCTGTACTCTTCAATCTCAGATCTGAGAATAGAATTATGCCTCTGCAGACCATCC
AATTGCAAGGAAACCATGGACTTCCAAGAAATGAGATCACGAAGATCTTTATCTGTGTTGTCCTGGATTTTAA
GAATATTTCTTATATCCTCTTGGGTCTTCTCAATGAGTAGATTATTATTTCCGATATCTTTGTCAAATCTTTGAA
AATATTGCCATATTTGGAAGTTAAGTCTCTAGATACCGCTCCAAAACAGATAAACTTAGGTCTAGTGAGCGA
ACTTTCTGTGTCAAATTTTGAAGACAGTGTCAACAGGCATTCTGCCAGGCCGTTGATGGTGTGATTCTTCGAC
CGGATCAGGTGTATTACTCTTTGAAAGTTCTAAATCAACACCATCACCACCTTCCTCGTTAGCAAGAGATTGCA
ACTCTTACCATGTGACACTTCATCAATGGGGCCAGGTTGGGAGGGAATTACTCTTATCAGGAGTAGCTTC
ATCTGATATAGAGGGTTTATGTTGAGCAGATATTAATCCTCCAGCATCATCTCAACAGCATCCATTCCATAAA
CTTCCACAGTGCTGAGTGTGAATAGAATTCTGAACCGTAATGGGTAAGAAAATTCACTTTAAATATCTCACC
CATTTTGGGTCTTGAGAACAAATCTATGTGCATGTTTTGCATTTGGAGCAGTGAAATTACCGAGCTTGAACCA
AACATCTGTTGGATAAACCAAGCTCCCATGTACCTCAAATCTTTTAAGTTAGAAGAAT

>trans_s_2843 NM_203064|Arabidopsis thaliana GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family
protein (AT5G16800) mRNA, complete cds

AATTGGACGTTAGATAAGAACCGAAACCCCAACAAGCTCCTTCTCATTTTAACTCCATTATTGATTGACAAGA
TGAATTAGGTGGGTGTTTCAGCCATCAAATTTACCAAAATGTTGAACTTCTTTCTGTTCAACCACTCGAATCTACG
TCAACCCATCTCAGTGAATGTGTAGGTCGATTTTGGCCAGCATATAAATTCTTTTATTGGGATTGAAATCTTTTG
CAATGGTAAAACCCAAAGCAATCGACTGTCCAAGTATATGTTATCGACCAATTGAACCTCGGACCTTGAGGT
TTTGGAGCAAATTCACGGTAACTTGTTTCCAATCCGGTATGAGGCGGAGTTTTTCCAAAATGTTGTTAATGGGC

GTGACATTGTGTCGTGGGCAGCGGTCGATCATAATAGACCGGATGGTAGAAGTGACGAGCTTATTGGATTG
CGACTGCACGAACTGTTTTGAAAAAGACAGTGAGATATCTGATTACTTCGGCATGATTGCTAACCACGGA
TCACACTCTAGTATACATTCTTACACTGGGAGTAGTGGAAGCTACAGAAACCTTGGGATAGCTAGTTCATT
GTTCAAAAGGTAATTAATATGCCTCAAGCATCCCAACTGCCGAGCAGTTTATTTGCATGTCATTTCATACAA
TACTACTGCTATCAATTTCTACAAGAAAATGTCATTCAAGTGCTACAAAGACTGCCGGGCTTTTACTTTATCAA
TGGGCAGCATTATGATTCTTACCTGTTTGTCTACTATGTAAATGGTGGTCGATCTCCATGCTCTCTATTAGAGGT
TGTGACTTTCATGGTAAGTTATTTAAGGGACGGTATAAAGTCTGTAACCTTNCAGGCTGA

>trans_s_2844 BT029467|Arabidopsis thaliana At3g18870 mRNA, complete cds

AGGGTAGCCATTGGCGCTAAAACCTTGAGAAAAACCCAGCCATTGGCGCTAAAACCTTGAGAAAAGCCCAGC
CATGGCGGTGCGAGCTCCAGTTCTTTCTCACTCATTCCCCATCGTCTTCTTTCTCTCACTTCACCACTCCCACT
CCCACTACCAGATCTCGCCATCCTCATCTTCCATCCATCAACTCCGCACTTCACATCAACAAAACCTCC
GTTACCTCAAGTCCCTAACATCATCGATCCCCAAACCAGGCTCCGCTCTCCCGACGCCGTCGACCAAATCCTT
ACCACCGTCCATTTCTCAAATCCAAGGGCTTCTCCGACTCCGATTTCCCACTGGCCTTCTTCTGCCCTAAC
CTTTCACTTCCAACCTTGACACCACCGACATTGCCCCGTTTTCCATTTCTCGCCGCCGATATATCCGCTTCCA
TTCAAGAATCGCGCGGATTGATCCTCCGGTGCCCTAAGATTCTTCTCCGACGTGAGTTGTGTCTCAAGCCG
ACGCATAGGTTTTGAAGCAATTAGGGATCGAGAATCTGAAATCGCCGAGTAATTTGAATTCGCACCTTCTGA
ACACTCGGGTGGAGAAGCTAAGAAACAAAATCAGATTCTTACAGGAGATCGGATTCTCGTACGAGGAGGCGT
CGAAGGTTTGTGGGAGAATGCCGGCGATATCGGGTACAGTGTGAAGGAGAATTTGAGGCCTAAGTACGAG
TATTTGGTGAAGGTGATGGAGAGGGATTTGGAGGAATTGAAAGGGTTTCTCAGTATTTCCGGGTTTAGTTTG
GAAGGAAGAATTATGCCTAGACATTTGCATTTGAAACAAAGGGGCCTTCATATTCCTCTCA

>trans_s_2845 XM_002315306|Populus trichocarpa histone H2 (HTB901), mRNA

GAAGGATTATACATTATTCGCTCCTTGTTAATCGTATCGAATTCGATCCTTAATTTTCCACCGCCTTTCCTTCTT
CCGAACAAATTCCGATGGCACC GAAGGCAGATAAGAAGCCCGCCGAGAAGAAGCCGGCCTCCGACAAGCCG
GCCGAGGAGAAGAAAACCGTTGCAGAGAAAGCCCCAGCGGAGAAGAAGCCCAAGCCGGTAAGAAGCTTCC
AAAGGAAGGCGGCGTCTGCTGCCGGAGACAAGAAGAAGAAGAGGATGAAGAAGAGTGTAGAGACGTACAAG
ATCTACATCTTCAAGGTGCTGAAGCAAGTTCATCCAGACATCGGAATTTCCAGCAAGGCCATGGGAATCATGA
ATAGTTTCATCAACGATATCTTTGAGAACTCGCCCAAGAGTCATCTAAATTGGCTCGCTACAACAAGAAGCCC
ACCATCACTTCACGGGAGATCCAAACGGCCGTCAGGCTTGTTCTTCCCGGTGAGTTGGCCAAGCACGCTGTAT
CTGAAGGCACAAAGGCGGTGACTAAGTTCACAAGTCTTAAAGCTTTATTTAGTGTGATTGAAATCCTATAG
GTGGTTTTAGATGAAATAAATTAGGCTTAGTATCTTTATTTTAAATTATTACGGTGTATTTGTGTTTTAATATCTT
TTGGATTTGTGAATTTCTTTTACATATATAGATGCTTTTGTAAATGCTTCTTTCGATGTGCTGGTAATTGAAGT
GATTTTGTTCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCGAAAAGCTTATCAAACCCGCCAACCCCA

>trans_s_2846 AJ849375|Lycopersicon esculentum mRNA for carbonic anhydrase (ca1 gene)

ACACAAACCTTCTTTCAATTTCACTAAGAGACGAAGAAATTGAGCAAAAAGGCATTGCAAGTGACGGCT
CCTACCTTTAAAAATTGTATCCTCGTTTGCTGTTCTGCCAAAGTTTCGGAAGACATGGCGCAAGAGTCGTACGA
GGAAGCAATTGCCGGAATTTCAAGCTTCTCAGTGAGAAAGCTGATCTCAGGATGCTGCCGCCGCAAGATC
CGGCAAATAACGGCTGAATTGGGCGGAACACCGCCTGTTCAAATGGATTGACCCGGTTGATAGAATAAAA
ACCGGGTTCACCATTTCAAGAAATCCAAATTCGAGACAAATCCTGATTTGTATGGTCAACTGGCGAAAGGGC
AAAGCCCAAAGTTTTTGGTATTTGCGTGTTCCGATTCCCGAGTTTGCCCTTCGCACATATTGAATTTCAACCTG
GGGAGGCCTTTGTGGTTCGTAATATTGCCAACATGGTGCCACCATTTGACAAGACAAAATATTCCGGAGCTGG

GGCTGCAATTGAATATGCAGTATTGCATCTTAAGGTGGAGAATATAGTGGTGATTGGACATAGTTGCTGTGGT
GGAATTAAGGGCCTCATGTCTATTCCTGATGATGGGGCCTTTTCCAGTGATTTTCATTGAGAATTGGGTGCAAA
TTTGACACCTGCCAAAAACAAGACCCAATCAAATTGCAACGATTTGAGCTTTGAGGACAAATGCACAGAGTG
CGAAAAGGAGGCTGTGAATGTTTCACTTGAAACTTACTGTATATCCTTTTGTAAAGAGAAGCAGTGGTCAAC
AAGAAAAGTGTATAAGGGGTGCACATTTACACTTTGTGTCTGGAGCTTTTGAGCTTTGAATCTCGA

>trans_s_2847 BT002430|Arabidopsis thaliana expressed protein (At1g65270) mRNA, complete cds

ACTCTCTTCTCGTTCTTCGAAAGTTCAGCCATGGGATTCCACTGTGGCTTCTTCATCTGCTGCCTCTTGATTTGTT
CATCTGTGGCTTTTCAATCCGATGAGCTTCTCGTTGATGATGAATTTGAAGGGACGCAGCAAATTCAGTAT
ACCGACGCCGCTCATACTCGATCCACACCTCTCCAAGTCGTCCGACATCGACTAGGAGGCGATTTTCAGATCC
TGATTCGGATTCTAAGGTTCAATTTTCACTAGAGCACTCATTGGGGACTCTGATTTTGCTCCTGCTGGCCTTTT
TACTGCACGTCTGAAGACTTCGGGGCCATGGTGGTCAGTCACTAACAAAGATGCGGTTTTCAAGAGATGCTTTT
ACCGAAGAGGACAGCAAGAAGTTCACGACCTTGTGCAAGAAGATGGTTTCTACACCGTTAGATTGGGAACA
AATGTTTTGAAGTCTCGGGGGAGAGCTATGTTTACTCATCAGTGAAATCAAGATGTCTTGTCGAGGAGAAT
TGGATGAACATTTTGTATACACATGGATGGTGTTAATATTTTGGCTATTAATTATGGTACCCCTGGTGCATGC
CCTTTTCCAGACAACCTGAACTTCCTTCAAATGGTCTTTTAACTCTCTCACGTTTTTGAAGAGTGGTGAGCAG
GCTCCTAGGACACCTGTATTGCTGAGGACATTCTGTTGGTGAGACTGGAGAAGGGGAAGGTGTAAAGCCA
CCTGAGAAGTCATTTTGGGCTAAATATTGGATGTACCTGATACCACTTGGATTGATTGGTATGAATGCCATAAC
ACAAGCAATGAACATGGCCGAAGAACAGGTTAGTGGCCAAGCAGCAGGACAAGCACAAACC

>trans_s_2848 U53418|Glycine max UDP-glucose dehydrogenase mRNA, complete cds

ATTCTGAATCTCACACCAAAGTTTCAGAAAACCCAATTCCTCTGAGAGATTATAAATTGAAAAAGAAAAAA
AAAACAAAAATGGTGAAGATCTGTTGCATTGGTGCTGGATACGTGGGAGGGCCAACAATGGCTGTTATTGCA
CTGAAGTGCCCATCCATTGAAGTGGCTGTTGTTGATATCTCGGTGTCTCGGATCAATGCCTGGAACAGTGATC
AGCTCCCGATCTACGAGCCAGGTCTCGATGGCGTTGTGAAGGAGTGCCGAGGCAGGAACCTCTTTTTCAGCAC
TGATGTGGAGAAACATGTCTCTGAGGCTGATATTGTTTTGTGTCTGTCAACACTCCACAAAACTAGGGGTC
TCGGAGCTGGTAAAGCTGCAGATCTCACGTAAGGAGAGCGCTGCTCGAATGATTGCCGATGTATCCAAATC
TGATAAGATTGTAGTTGAGAAATCAACTGTCCCGTCAAACTGCTGAAGCAATTGAAAAATCCTTACTCAC
AACAGCAAAGGAATAAAATTCAAATTCCTCAAACTGAATTCCTGCTGAGGGGACTGCAATTAAGGATC
TGTTTAACCCGACCGTGTCTCATTGGAGGGAGGGAAACCCAGAGGGTCAGAAGGCCATCAGTACACTGA
AGGCCGTTTATGCTCATTGGGTACCCGAAGACCGAATTCTCACTACCAATCTTTGGTCTGCTGAGCTCTCCAAG
CTTGCTGCTAATGCTTTCTTGGCTCAGAGAATCTCATCTGTGAATGCTATTTCTGCTCTATGTGAAGCCACTGGT
GCAAATGTTTCACAGGTAGCCTATTCCGTTGGCACGGATTTCGAGGATTGGACCCCTGGGGAGTTG

>trans_s_2849 XM_002327065|Populus trichocarpa lysine/histidine transporter (PtrLHT4), mRNA

AAGCATCATTATCATTCTCTTCCCCAACCTCTCAATCAATCAATCATTCTCCATTTTCCACTTTCACTTTACC
TTACTCCCACTTCTTTCTTCTTCTCTATATTATCAAATGCCCTCAGTTCCATTGCTCAACTGAAGATCACAAAC
TATTTACCCCTATGGAAGAGAGGCCGAGACGGAGCTTATTTCCATTCCGGCGACCCACGAGTTTCCACGCC
GGAGATTCTACGCCGACGGGTGAGAGGTGCCTAGGCCGCTTCTAAAGAAGCTAAGTCTTCCACGGCATG
GACTCCGACGTCGTTCAATTCGCCGAGGTTTTTGAGCCCCATTGGGACTCCCATGAAAAGGGTTCTTATTAATA
TGAAGGGTTATTTAGAGGAAGTGGGTGCTCTCACTAAGCTTAACCCACAAGATGCTTGGCTTCCATTACCGA
GTCGCGTAATGGTAATGCTCACTACGCTGCTTTTATAACCTTAATGCTGGTATTGGCTTCCAGGCTCTCGTTCT
GCCCCGTTGCCCTTCGCTTCTTGGCTGGAGCTGGGGTATACTATCACTAACCATAGCCTATTGCTGGCACTTT
ATACCCCTTTGGATCCTAGTTCACTTCATGAAGCAGTTCCAGGCAAAAGGTACAACAGATATGTGGAGCTTGC

>trans_s_2850 NM_001060353|Oryza sativa Japonica Group Os04g0608900 (Os04g0608900)
mRNA, complete cds

>trans_s_2851 NM_001060389|Oryza sativa Japonica Group Os04g0613400 (Os04g0613400)
mRNA, complete cds

>trans_s_2852 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete sequence

CAGTGTTCGCCAAACTGACGGCTCAATTGTTACCAAACATGTTGTTAAGTTATGGAGAGTCATAGTGAGTG
ACAGGAATGGAAAACCTATTGACTCCTCCGAATAGAGTTATTTACCTTTAAGAGACGAGCCTAAACATATCG
TCAAGCTATCACCCCAAATTGACGATCAGATCGAGCGATTCAACTATTGCTCGAGGAATATTTAAGTCATTTTG
CAAACGCAAGACAAAAAATTAGGTCCAAGTGTGTATGTAGCCCAATTCTGTTTCAACGTTCAAGATTAGTGTC
CACTAGGGGCTATTTGAGATTGTTTCTGGTAGACAACCTGTATTGTCACACCTTGTCAATCATCCCAATGTAGG
GAAGAACCCCAACCCACAATTCTACCAAGGAGTGAAAACAGACAATAGACATACCCCGAGCGTACTTAGAG
AAAGCCTCAAGGCGGATGTGGACAGATAAAAAGCGATGGCCCTTGAGTTTCAGACAGAAGACCAAGTACTC
GTTAAACTACGACCATAACATATCAGATTACGGAGATGCTAAGATCAGCACCTCGTCAGAAAATACAAAGGAC

CAGTAGAAATGCTGAAAAGGGTAGTGAATATATCTTATGAAGTAGCGTTACCCACACGGATGAAAATCTACCC
AGTAATTCATGTGAGTAACTTGAGACCCTACCATCAAGATGCTGAAGACTTGCAGCAAAATGTCGTAATTCGC
CTAATCATCAACCTTAATCGACAAAAAGACAAAGATGTAGAAGGAATTTGACTGAACGAGAAACAAAGGAC
AGAAGACTTACACGAAGAATACACGAGTATCTGGTAAAATGGACAGACCTTCCTGTGGAAAATAATA

>trans_s_2853 XM_002878754|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADP-ribosylation factor 3 (ARF3),
mRNA

GTTACCCAAAATTTCCAACCTCATTCTTTGAGAATTGCGATACCAATTCAAGTACATCACCACCCACTTCTTCTTCT
TCTTCTTCTTCTTCTTCACTCTGACTCTTCTCTACAACGCCACTTCTTCTCTAGATTCTCTTTCAATTCACAATCC
TCCCTCATAACAACGCAGGGATGTATTGAGCCTCTGCGTTTGAGATCTGATCCTTTAATCTATCTATAACTATAA
CCCATCATTTTTTTTTCTTCACATCATGGGGATTTTGTTTACTCGAATGTTTTCTTCGCTTTTTGGAAATAAGGAAG
CTCGGATCCTTGTTCTTGGTCTCGATAATGCTGGAAAACTACAATTCTCTATCGGCTTCAGATGGGGGAGGTT
GTCTCCACTATTCCAACAATTGGGTTTAATGTTGAACTGTTCAGTACAATAATATCAAATTCAGGTCTGGGA
TCTTGAGGACAGACTAGTATCAGACCATACTGGAGATGCTATTTTCAAATACGCAAGCTATAATCTATGTG
GTTGATTCAAGTGATACTGATAGGTTGGTGGTAGCAAGAGAGGAGTTTCATGCAATACTTGAGGAAGAAGAG
TTGCGGGGTGCAGTTGCTTTAGTTTTGCAAATAAGCAGGATCTTCCGGGTGCACTTGATGATGCTGCAGTCA
CGGAGGCTTTAGAGTTGCATAAGATTAAAGAACCGCCAATGGGCTATATTTAAAGCCTCCGCTATAAAAGGAG
AAGGTCTTTTTGAGGGATTGGATTGGTTAAGTAACACCCTGAAGTCTGGAGGTGGCTAATTCTTAGCAGCCAA
AATGAATATTTGAGGCACCCAGTTGGAGAATACGGTGTTTAAAGCGTATAACTT

>trans_s_2854 AF383150|Manihot esculenta phenylalanine ammonia-lyase 3 (PAL3) mRNA, partial
cds

ATGTCCAAAGTGCTGAGCAACATAATCAAGATGTCAACTCTCTTGGTTTAATCTCATCAAGGAAAACAGCTGA
GGCCATTGACATTCTAAAGCTCATGTCATCCACATTTTTGGTTGCTCTTTGCCAAGCAATTGACTTGAGACATTT
GGAAGAAAACCTGAAGAATGTAGTGAAGAGCACAGTAAGTCAAGTGGCCAAGAAAGTTCTCACCACAGGTGT
TAACGGTGCACTTCATCCATCAAGATTTTGTAAGAAAGATTTACTAAAAGTAGTTGACAGAGAATATACGTTTG
CCTATGTGATGACGCATGCAGTGCCACTTATCCATTGATGCAAAAATAAGACAAGTTCTTGTTGAACATGCT
TTGGAAAATGGTGAAGATGAAAAGGATGCAAGCACTTCCATTTTTCAAAAATTAGAGCTTTGAGCAGGAAT
TGAAAGCTATCTTGCCGAAAGAAGTAGAAAATGCAAGATTGTCATATGAAAATGGAACATCCACAATTGAAA
ACCAATTAAAGAATGCAGATCTTATCCACTGTACAAGTTCGTGAGGGAGGAGTTGGGAACTGGATTGTTGA
CTGGAGAGAAGGTGATATCTCCAGGAGAAGAATGCGAAAAGGTATTCACGGCTCTTTGCCAAGGAAAGATG
ATCGACCCAATTTTAGAGTGTTTGAAGGAATGGAATGGTGTCCAATCCCCATCTGCTAGTTATATTGCAACCA
AACCGAAGGATCCAACCTGTTCAATTTACTGATGGATAAGAAAAACNAGCCCTTAGCCTTAATTATTTTGTCTG
TTTTTTTTTTCAGTTTTAAATATACATCAACGTGTAATATTTGGAAAAAAGTTCCGTAATTAATATT

>trans_s_2855 BT003118|Arabidopsis thaliana At3g59650 mRNA, complete cds

GCCTTCTTTCATATAACCAACCCCCGCCCTGCACGCATTTCTGCCCCGCCGCTTTCAGCCTGCCGGCGAAAT
CGCCGCCACCCCTTATCGCACTCTCTCGCCACTTTGAGGAATCAAAGCTACTTATCGCTATTTATTTTTCTCCTC
AGGAACACAGTGGTCTAGCCCCTTACCCTCGCCGTTGGTAAGATCGCGCCACCGCCGCTCGTTTTTCAGATCCC
AAGAATATGGCTTTGCGAGGTGTTTGGCAGCTTAAGAAGTTGGTTGTCAGCTACTGTGATTGGGGAGGAAGC
AGCAGGGGCATCAGGGCATTATGGAGTCGCAGATGCCAGCTTTAAGGAGAAAAATCCTCAGCTAGAAGTA
GTTACTGAGCTCAATCGTGGCCAGCATCCATACTTGAAGGGCTTCTACAAAAGCAATAACAACCGGGTAGTAT
GTGTGAAGAACATGGATCCAGAAGAAATTCATTCATGTGCAACGAGGCTAAGGAATTCAGTGGGACGAAAGG
TCGTAAAACCTGAGAACAAGACATGTAATAAAAAATCCCAGTGTGCAAGGTACCTGGAACACAGATGTAAGAT

TTTGAGGGCTGGATGGATAATTTAATTATTCCTGAAGAGCTTGATATCATTTAGAGAATGTTCTTTCCATCAAT
AATAAGATGTTGAAACCAAACCTTATTTATAGAATTGCTTGAGTTTTTGTGTTTGTAGTGAGTCCTTATGTAAC
TTTGAGGTAGTTATTATTTCCCGGTTCTCTGAATACTTTCTGGAAAGTTTCGATAAAAAATATGAGTTCGTCTT
GAAGAATGTCTGAAACGGAATGGGGTTCTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2856 U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

ATCACGATCTGGTGACCGTGAACCTTGCTGAGGAGTTGCTTGTTTACTTCATTGAACAGGGAAAGAAGGAATGT
TTTGCTTCATGCCTCTTTGTTTGTATGACTTAATCCGGGCTGACGTTGCTCTTAACTTGCCTGGATCAACAAC
ATGGTCGACTTTGCTTTCCCATACCTGTTGCAGTTTATCCGAGAATATACAGGAAAGGTTGATGAACTAGTGAA
GGACAAGATTGAAGCTGCAAAAGAAGTGAAGGCTAAAGAGCAGGAAGAGAAGGACGTTATTGCTCAGCAGA
ACATGTATGCTCAGTTGCTGCCTCTTGCTCTGCCTGCACCGCCTATGCCGGGTATGGGAGGAGGACCAGGAAT
GCCAGGGTTTGCTCCTGGACCACCACAAATGGGTGGATTGGGGATGCCTCCAATGCCACCTTTCGGCATGCCA
CCAATGGGTAGCAGCTATTAACCACATAGACAAACCTAGAAAGAAAGCGGGATCGATTATAGATTCTAGGG
AGAGTTGAAAGAAAGAAACCTTGAAAATGGGGAGGGCTTTTCTTACCTTAATTCTAGGCTTCTCCCCAGTT
GTTCTCGATGGGTGAAAAATTCATGAATTTTGGCATTCTGTTTTCATGTGTTATAGTGCTTGTGGAGTTTTTA
ACTTTAATTTGTGTTGTAATATTCTTTGGTAGCGCAGGCATTTTTTCCGGATGCTCTGGTGCACCAACCTGAG
GGTCTGTATTTAAGATTTTTCTCCTCACTCCTATATAGCCTGGCCTTTCATTANGAAATGCTACTCTAAACG
ATGATAAAACCCAGATTCATAGATTATTGTCTTTTCTTCTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2857 AF520577|Cucumis melo 17 kDa phloem lectin (Lec17) gene, complete cds

CTGATCCTCCATACTTGTAACCAATCAAGGATCTTTATACAACATTTTCCATTCTCATCTTTATTTCTATATCTCT
ATCTCGTTCATCCAAATACTATTTAATGGCAGGCCAAAGCACACACTATGTGGCATATCCAAGAGCTGCCTCA
ATAACATGGAGTGATGACACTCGATACTGGAGTTGGGCCCGCGGATTTTTCGGGCTACCAATTGAAGAA
GCCCCGACTTTTGCAAGTATCTTGGCTCGATTGTCGTTGGAGCATGGATTCTAGTTTCAAACAAGATCTTTG
GTACAATGTAAGCATTGAAGTAATGATGGCAACACCGCGTCTGGATGGGATATTCCACTTAACCTTGAAATC
GATATGCCAGATGGGAGTAAGCAAGAGTCTCAAATAGTATTGGCGGGCAAACAACCAATGTGTGGTTCAAG
ATTCCATTAGGTAAATTCATAATAAGTGTTCTGTGACTAGTGGGATACTTCGATTGGTTTCTACAATCATGG
AGGGCATTGGAAAAGAGGGTTAATCGTGAGAGCTCTTCCATTCAAGCATAAAGATGAGTTTCAAATGATATG
TTAACAGAGTAATAGCATAAAACACTAAATAATAAGACCTTTTGTCTACTTGCAAAAACCTTAAAGTTTAAATG
GGTCTATTTTATCTATGGTAGATGCTAAATATAATGTAACACAACATAAAAAATATATAATAATAATATGAC
CTTTTGCATAGTAGCAATAAGTTCAGTTCAAAAACTTTAGTATGTTTTTCAATAAAGTATGTACTCTGAAGTTAT
TATAATAAATCTATCCACTCATGTTGTGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2858 XM_002871569|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

ATAGAGAGAACTGAAAATTTAATCTCCAAAATTAAGATGATGATGAAGCTTAGGTCAAAGAAATTCTGCC
GAAGCTCCACTTTCAAATTTGGCTTTGTCAACAGCTGTAATAACAAGATCAAAGTCGCCGATGACCACCACAA
GGACTCCGCCGCTGCCGCCGCCACCTTGACGGAAATTAAGTGGGAGCTCCGCCAGGTGGTATGCTTGTGCA
GAGGAGAGAAATCGCCGGCCAATCTACTTTGGCCGGAGAAGATGAAACAATCACTATTAGAGTTTCAACTGT
CTCTCAATTTTCATGACATTTCTGTTCAACCCACCTCTACTTTTGGGGAATTGAAGATGATTCTATCAATGGTGAC
TGGTTTAGAAGCAAAAGAACAAGATTATTATTCAAAGGGAAAGAGAGAGATGATTGTGAATATTTACACAT
GGTGGGGGTTGGACACAAACACAAAGTTCTTCTACTTCAAGATCCAGCTATCAAAGAAAGGAAGCTTCATGCT
TTAGCAACAACCCAACCAATTAGTGTATAATATTAATTATTATTATTAATCTCATCATAATTAATTAATATTAC
TACTAATTAATCCCAAAAAAAGACAAACACATGGTTTATATTTTAGATACCCACTAACCTAAGAGGAAAAAC
AATTATGTGCCAAAATTATTGCCTGTCTTTAATTGAAGGCCTTAATTTGTTGTTTGTGAGAATTTTGGTGGTT

TAAATATATAATATATATAATGTATAATGTATTTGTAAGACCGTTTGAGCAAATTTTGAGGGCATCCATTATAT
ATATGGATTCTTATGTGTAATATGATGATGATGCTTGTCTGAGTCATTATGTTTGTTGATT

>trans_s_2859 NM_001060755 | *Oryza sativa* Japonica Group Os04g0671700 (Os04g0671700)
mRNA, complete cds

AAGAAGAATTTATTTTTGTACATTCTTGATAACATTCGTAGGCAATACCAATCGCTAACATTCTTTATTTCCAAT
AACGTTGTTCTCATCCATTTCTTGATCCAACAAAATATATGTGTTTACGAGTTGAGGCGTGGAGCGGATTGT
GTGGAGGTGTAGAATATGCCAACATTATTTGTATAACTATGTTATCGGTGGCCTATATCCTCTCACCTCGTTGA
TCCCCCCCCACATTTGGTTCCGGAAGAAGAGCACTGAAGTAAAGATATGGCTCAATCCAAGTCCAAATCTGTTCT
CCTCCTCTGCGGCGACTTCATGGAAGACTATGAGGCGATGGTCCCATTTCAAGCGCTACTCGCGTATGGGGTT
TCAGTGGATGCTGTTTGTCCGGGGAAGAAAGCTGGCGATATCTGTGCGACCGCTGTTTCATGAGTCGTTGGGT
CATCAGACCTATTCAGAATCTCGCGGGCACAATTTGCGCTGAATGCAACGTTTGATGAAATCGATTTTGACAA
ATATGATGGGTTGGTGATCCCCGGAGGACGAGCACCAGAATACCTGGCTATAAATAGTTCAGTGCAGAGTTT
GGTGAGAAAATTTTCAGAGTCTGGGAAGCCAATTGCAACTGTTTGCCATGGACAGTTGATTTTAGCAGCTGCA
GGGTTGGTTAGAGGTCGGAAGTGTACAGCATACCCACCTGTGGGACCTGTCCTGGCTGCTGCTGGTGCTTCTT
GGATTGAGCCAGATAGTTTGGCAGCGTGTGCTATTGATGGTAACTTAATCACTGCTGCCACGTATGAGAGCCA
TCCTCAGTACATTAGCTTTTTGTCAAAGCACTTTGGAAGAAACGCCAGTGGATCAGATAAAAA

>trans_s_2860 NM_001058385 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0840900 (Os03g0840900)
mRNA, complete cds

ACGGCCATTACCCTTTTTCCCTTCTCACAAAGCCGAAAGAATTGCAGGACAATAAGAAGACGAAGAAGATTG
AAGGAAGGAAGTGGGAGAGGATATCATACAACTTTATATCCCTTGATAGCGTCTGACAATTCCTTCCTGGATA
TGGCTGAGAACAAAGGGGTTGTGCCTCCACCCACGATTTGAATGCCAAGTGGGATGCTTGTCTTGATTTGAC
TCTGCGTCGATTGTTTTACTCTTCCTTCGCTGGTGCATTTGGTGGCCTCCTTTTCTTCAGGAGTCCGGTGACTCG
TTGGGCATCTATTGCTTTTGGTGCTGGATTGGGCATTGGGTGAGCATACACAGATTGCAATTCCTTATTTCAAG
GTTCCACCGCCAAATTCACGTCTCCAAAAATCACTGAGGCTCAACCTTCACAGGAGGGTCAAGATTAAGGACA
AATCATGTGAGAAGCAAGCCGTCTTGAGATTGAATGGATGTGAAACCGTAATTTTACTTGAGATTGTTGAAGC
TTACGTTTCCCATGTTTGGTTTCCATTGTGTAATACAACTTTTTTGCTTGTTGACATTATATTTACCTCCATGC
ACGCTGCAGATTTTTGTAAGCATCTGTAACTTTTCCCTGTTGCTCATAGAGTTTTCCCGAGCTGGAGAGGAAAAA
AGAAATCAATAAGTACTCTTCTTGCCACCCTCACTTTGTTTATCTAATTCATGCTTTGACAACCATCTTTGTATC
ATACTCTTTGCAGTTTGATGGCTTATGTAGTGGGGAACTTGATACAATATTTTGGACTCTGGTTGATGAACT
TAGGTTTCGCTTTTGCTTTTGTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2861 AY968404 | *Coccinia sessilifolia* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCATATCAATAAGCGGAGGAAAAGAACTTACAAGGATTCCCCTAGTAACGGCGAGCGAACCGGGAAGAGC
CCAGCTTGAGAACTAAATACCCTCGACGTCCGAATTGTAGTCTGGAGAAGCGTCCTCAGCGGCGGACCGGGC
ACAAGTCCCCTGGAAGGGGGCGCCCTAGAGGGTGAGAGCCCCGTTGCGCTCGGACCCTGTGCGACCACGAG
GCGCTGTCAACGAGTCGGGTGTTTGGGAATGCAGCCCCACGATTTATGGTAACCCTGTCCAAGGCTAAATAT
GGGCGAGAGACCGATAGCAAACAAGTACCGCGAGGGAAAGATGAAAAGGACTTTGAAAAGAGAGTCAAAT
AGTGCTTGAAATTGTCGGGAGGGAAGCGGATGGGGGCCGGCGATGTGCCCCAGTCGGATGTGGAACGGTGA
TGAGCCGTCGCCAATCGACTTGGGGCATGGACCGATGCGGATTGAGACGGCGGCCTACGCCAGGCCTTT
GTTACGCCTGTGGAGACGTCGCCGTACGATCGTGGCTGGCAGCGCGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCT
GCGCGCTCCTGGCATCGGCCTGTGGGCTCCCATATTACCGTCTTGTAACACGGAACAAGGAGTCCACCCTC
CACCTTGTGTTGCGTCTCCGTGGTGGTATGCAGATTTTCGTCAAGACGTTGACCGGAAAGACCATCACCTAG

AGGTTGAGAGCTCTGACACCATCGACAACGTCAAGGCTAAGATCCAAGACAAGGAGGGAATCCCACCAGACC
AGCAGAGGTTGATCTTTGCCGGGAAACAGCTTGAAGATGGAAGGACCCTTGCTGATTATAACATTCCACCTGT
CAGTGTTT

>trans_s_2862 BT025510|Arabidopsis thaliana At2g01150 mRNA, complete cds

AAGAAAAGGAAAAGGAAAAGGAAAAGGAAAAGGAAAAGGAAAAGGAAAAGGAAAGAATTGAAAGAAAAAGAGAGA
ATTTTTCACAAACATTATAAACTAAAAAGAATTGAATTATTGGAATCTATCATCCGCCTCCTCCTTCTCCTT
CTCCTTCTCCTTCTCCTCCTCCTCCCTTCCCCCATCTCTTCCGGAAGAAGCCATGGCAGCACTCTCCGAGTTC
TTCTCCACCTCCACAAAGACCGCAACTCTTTTACCCCTTTACTTCTCGAATTCGTCAATCTCATTTCGTACC
ATCTTCGGCTTAAGACCTAACGCCGACAAGCGCGTAATCACGACGGCTCAGTTTTTGAACTCATCGAAGACA
AGAATCCCACCATCCGTTTTCTCAAATAAGGTCACCCCAAGTATCGCCGATCAGTGTGCCGTTTGCCTCTCTGAA
TTCGAGGAAGGAGAGAAGGTACGGAAATTGCAATGCAACCACACTTTTACAAGGATTGTCTCGATAATTGG
TTGAACTCTGTTTCGCTACATGTCCGCTTTGCCGGAGTAAGGTTTTGCCCGACGATATCGTCGCCGGCTACCA
TAGGCTTCGTGACCGTGTAGAGTACGACGGCAGTGACGAGGAGCTCATCTTTTGTATCGGCATTACATGGT
AACAGTATATATATAGATTTTTCTAGGGCGAAACACCAATTTTATTTGTTTTAATCACAGAATAGAATTAAT
AACATAGAATGTTGATTGTCTGTAGATTAAGTGGGAAATATTGTTTTCTCCCTTCATTGACGAGCAATAAC
GTTAAGAGAACGGCTCGTTTCTGGTTTCGATTGATCTCTGTAGCGAGATCCAGATAATCT

>trans_s_2863 NM_102009|Arabidopsis thaliana PTAC6 (PLASTID TRANSCRIPTIONALLY ACTIVE6)
(PTAC6) mRNA, complete cds

GAATCAATTATATATATTTCTCAAAGTCTAGGACAAATCTGGGTCCCGCAGCCTTTGTTTCTGAAGTGCTTCGT
CAAGAAAACCTTAAGAACCTCCTTTTCGGACTTGTATAATGGATCTCTAGGTGCATCAATAGGTGGTCTGTGA
CATTGTAGCATCCATAATCACTCTGAGCACATCTAATACTTCTGAGGCATTGGAGCAAGAACTTTGGGGAT
GGCATAAACATCAGTATCTGGAGGAGTAACGTACATCTCTCTGAAATCATAAACATCATTATCGGGATCCGGC
GGCTTCCTAATGAAGAAATCACAGTGCAACAACTAATCTTATGAAATTCCTCCTCATTTATCCTATAATCCACA
ATCATCTCCGAATCCCATCCCTGTGTGGACACGAAGCTTTTGCTCTGCACAATCGAGATATTCTCGTCGCCGAC
GCCGTCCGAACCCGCTGCTGCAGCTGCCGCCGCGGCTAGAGGATCGTACTCGATGTCGAAATCTTCTTGTTG
TCGACTTCCTCCATTTCTCGTCGTCCATGTCGTAGTCATCGGGACCAACGCTATCTCCGTGCCATCGTCGGA
GAAGACTCGGAAAGGGTTTCTTCTAGGGAGGAAGAGAGGAGATGCAGAGGGAGTGGATTTCTGTAGGGCA
GGCTTGGGAGGTGGGGAAGAGAGGTTGCGGCGGAGATGGAGGAGGCTCGGAGACGGTTGATTGTGGGCG
GCGGCAACGGCAAGGAGAGGAGGAAGACGGTGGAGTTCATGAGGACGCGAACTCTGTGAAGCGGCCGTGCG
GAGAATTCGAACGCTCTTATGTTGAGTCCGTTGATGGATCCTGTCAGGTGGATAACGTTCAAATAATT

>trans_s_2864 NM_125829|Arabidopsis thaliana NPH3 (NON-PHOTOTROPIC HYPOCOTYL 3);
protein binding / signal transducer (NPH3) mRNA, complete cds

AGGAACAGACTGAGATTTGAGTCCAAGCCGACAATCATTTTCTGATAAACATATGTATGATGGATCTCAAAG
AGGGGTTGTTCCAAATGCCAAATGAGGGTGGCAAGGCTTGTTGATAGCTATCTAACAGAGGTAGCCAGAGA
CAGAAACCTTTCTTGACAAATTTCAAGTACTGGCTGAAGCTCTGCCAGAATCTGCTCGAACATGTGACGAC
GGGCTTTACAGAGCTATTGATTCCTATCTTAAGGCGCACCTACGCTCACAGAGCATGAGAGGAAGCGACTAT
GCCGAGTAATGGACTGCCAGAAGCTCTCCATTGATGCTTGATGCACGCAGCACAAAACGAAAGGCTCCATT
ACGAGTGGTGGTCCAAGTCTGTTCTCAGAGCAAGTAAAGATAAGCAATGCAATTGCCAATTCGTGCTAAAA
GAAGCAAACGATTGCAATTCCAACCACTTGTAAACAAACAGAAAAACATTGCTGGAAGCCACACCACAATCAT
TCCAAGAAGGGTGGGCAACTGCCAAGAAAGACATTAACACACTTAAGTTTGAGCTTGAGAGTATGAAGACCA
AGTATCTTGAACCTCAAACCTGAAATGGAGAGCTTGCAAAGACAATGTGAGAAGGTTACCAAGCAAAAGCAAA

GCTCTGCTTGGAGTAGTGGGTGGAAAAAAGCTGAGCAAATTGACTAAAATTTCAACTTTGGAAACCCAGAAA
ATGAATTACAACATCCAATTATTGCAGAACAGACTAAGAAAGTACCTAGAAGATGGAGGAATTCAATATCATA
AGATGCATAAGGGATATCACTTTCATATTTCAACATTTGGGTTCTGTCTCCNTTTTTTTCTTTTCTTTTCT

>trans_s_2865 EF213557|Cucumis melo NAC transcription factor (JA) mRNA, complete cds

CTTCTTCTCCAATTAACAAAGCCTAAAAATTTTGGTTACAAGAAATAGTTGTTGGATGGAAAATCCAAAGTCGG
CGCTCGAGACCGATTTCAGAGCGGCCGAACCTGCCGCCGGGATTCCGGTTCCACCCTACCGATGAGGAGCTGG
TGGTTCACTATCTGAAGAAGAAGGCTACTTCTCTCCCCTTGCCGGTGGCCATCATCGCCGAAGTTGACCTCTAC
AAGTACGATCCTTGGGAGCTTCCAGCTAAGGCTAGCTATGGAGAGCAAGAATGGTACTTTTTTCAGTCCAAGAG
ATCGAAAGTATCCAAACGGAGCACGACCAAAATCGGGCAGCAACGTCGGGGTATTGGAAGGCAACTGGAACC
GATAAGCCGGTCATAGCTTCGTCGGAAGGGAACCGGAAAGTTGGAGTGAAGAAGGCTTTGTTTTCTATGGT
GGAAAACCTCCAAAAAGAATCAAAACCAATTGCATCATGCATGAATATCGCCTCGCCGATAACAAATCCGGTG
GTGGAAACAATAATAAGCCACCAGGATTTCATTATCGGCGGTAAGAAAAAAGTCACTGAGGCTCGATGACTGGG
TTTTGTGTGCAATTTATAAAAAGAACAACCTCGAACAACCGGGGACGGATCATGAACGAGAAGATTGCTTTGA
TTCTATGGTTGGGTCAATACCGTCATCGATACAAATCAATAACTACAATCAATCAATGACGACGACCACAACG
GCAACGAACTTTAGTATGTATTCTGAATTAGCCTCTTTGTCGCTTCCAATGAAACGGTTGCTGCAACCCCATC
GTGGGAGGAGGAAGAGTATCGGTTGGCGGACAACCGATCCTCAAGAAAAAATTACCAGTTATGAACGG

>trans_s_2866 HM122554|Malus x domestica GATA domain class transcription factor (GATA3)
mRNA, complete cds

AAAACTTTGGAATCTGCAACTGCCCATCTGACCCATCTTCCATTTCTCTCCCTTGCAATTATTTTTGTTTTCT
TTCCCCCTTTCTCAAACAGAAGAAATGGAGTTTTTGGAAAGCTAAAGCTTTGAAATCAAGTTTCCATTGGGAAT
TAGCCATGAAATCTGCCCAACAAGATGCTTTGGTCGAGGAAGTTTGGTGTGTTGAACGGTGCTAATCTCGTTTC
CGGTGAGGATTTTGAGATCGAAGAGTTCTTAACTTCTCTAATGGCGATTTAGAACATGGGTCTTCTTTGAGA
CCTCAAGAAGATGATGATTGTGAAGAGTTTGAAAAGAATCGGTTCTCTCTTTCGTCTAATTCGAACCAGACCG
GTGGGTCTCCGGTCGTCGGAGATGAGGATTCTAAGTCGCTTCTGCTGTTGAACTTGCTTTTCCGGGCGGATTCT
CTGACGGACCTTGAATGGGTTTCTCAATTTGTCGACAATTCTTCTCGGAATTTTCTGTCCCGCCGTGACTTTC
AACCGCTCCGAACCGGAGAAGAACTCACCGGAACAGTTATTTCTGTGTTTGCCGACGTTTTTTCCGGTCAGAC
CGAGGACAAAAAGGTCTAGACAATCTCGTCAAGCGAAATCCGCAGGTTCTTCTCTCAACCAATCGACGTCATC
GACCTCCTCTCGACCTCCTCCGGTGTTTCTCCGCCGACCTTGGGTTATATTCTCCGACGCCGGTGAGAACG
TGGACTTTTTAAACGTGACCGGTGAGCCTCCGAAGAAGCAGAGGAAAAAGCCATCGTCGCCGTGCGCTTCGTC
AACGGGTCTTCTACCCACCGGTTTCGACTGGTCAAATTCGCGGGCGTTGCAGCCATTGT

>trans_s_2867 NM_001065710|Oryza sativa Japonica Group Os07g0211800 (Os07g0211800)
mRNA, complete cds

GTTGGGCGGGGAACAGAGAAGCTCAAGGCCCTTTTTTCATTCTTCTCATGGCGATCCGACCCAATCCTAACA
AACCCATCTACATTTCTTCTACAATTCCCAATCCACCATTATTGAGAGCTGTGGATTGAATAAAGAATGTTTTA
GATTGTAATCGGCAATGATTGTACTGGGGTCTGTGATATTTGACATGAATCTCTCGCTTCTTCTTCATCTCAA
TCTTCAATTCCTCCCGTATCTGTATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCCTACTCCTCTTCGTGCTCTCAACCACT
TCATGGCTCTCCGGCATAGTTCGCGGCCGTTCTGATAGGTCTGCGAGCATGAAAATGTCGGCCAACACTTCCT
CTGGCTCTCCTGTTGGGGATTCCCCTGGTCCTGTCGTCAGAAGAATCACTTCCGTGGGTTTCTTCTCAAGTAC
GGTCCCAAGCCAATTCAGGTTGCATTTAAGACAGGAGATTACAAACAGCAAGTTATATTATTGGTGGATTGA
CCGATGGCTTTATGGCAACAGAATATTTGGAACCTCTTGCAATTGCTTTGGATAAAGAAAAATGGTCACTTGT
CAGATACTTCTCTCATCATCTTATAGTGGATATGGTACCTCCAGCTTGCAACAAGATGCCAAGGAGCTTGATCA

GCTAGTAAGTTATTTGAACAATAAAGAAGACTCTGAGGGTGTGTATTACTTGGACACAGTACTGGCTGTCAG
GATATAGTCCATTATATGCGTACGAATGCGGCTTGCTCTCGAGCAGTTCGTGGTGCCATTTTGCAGGCTCCAGT
TAGTGATCGAGAGTATAGAGCAACTCTTCCTGAAACAGCAGCCATGATTGACTT

>trans_s_2868 HM122689|Malus x domestica TCP domain class transcription factor (TCP1) mRNA,
complete cds

ATGGAAAGATTGGTTTTGGTCTGTGGAGGAGAGGCCGTAAATTCTGTTGAAAATCTTACTCCTGATTGCCTTG
GATGGGCTGGTCTGGTCTATGAACACGTTCTTGGGGAAGAGAAATATACCTTTGTGGAAAATGTGAAAAATC
CTCATTGATGCACTATCTTGATCAAGGGACCTAATGACCACACAATTGCTCAAATTAAGGATGCTGTTTCGTGAT
GGTCTTAGAGCTGTGAAGAACCATTGAAGATGAATCCGTTGTCATGGGTGCTGGATCCTTCGAAGTTGCTG
CAAGACAATATCTGGTTAATGAAGTGAAGAAAACCTGTTCAAGGACGTGCGCAACTTGGCGTTGAAGCTTTTGC
TGATGCCCTTCTTGTTGTTCCCAAACACTTGCTGAGAACTCCGGACTCGACACACAGGATGTGCTCATTGCAC
TTAAGGGGGGCGCACGACCGGGGCAACATTGTAGGGCTAAGTCAGCATAACAGGAGAACCAATTGACCCCCAAA
TGGAGGGTATCTTTGACAATACTCAGTGAAACGCCAAATTATCAATTCTGGGCCTGTAATTGCATCGCAGTTG
CTATTGGTTGACGAGGTAATTCGTGCTGGCCGCAATATGCGAAAACCTACTTAGGCACCGCCCAAATGTAATT
TTTAGCTGTTTTTTTTTGATCTGCTGGAGTGAGTTTGAGCTACTTTTCTTGTAAGATATACTGTTTGAG
TTGTTGGGAAGCCTTTGCCCCATTACTGTAGAACTTTTTCTTTTATCCTTTTTTGTTCAGAAATGGAAAAG
AAAAAAAAAATAGAGAAACCCCCCTTCCCTATTTTTTTGGAGGTATTATAAACAATTAG

>trans_s_2869 AY124870|Arabidopsis thaliana AT4g01050/F2N1_31 mRNA, complete cds

ACCTCGTGGATGGACGAATAGTGGACTACCATGGTTAACACCTAAGCCAAGTTTGAGTCTTGGCAGTCTAACA
GATGCCATTGCTGGTGCATTCGGTGAGGATTCTGAAGGTCTGCCTGCTGTTGCTACTGCTGTTGCTGCAGCAG
CTACTGGAATAGGTTTATTGGCTTTTACTGAGATGGAAACAGTTCTCCAACCTCTGGGTTGAGCTGCAATCATT
CAGTTTGTGAGCAGGAACTTCTATATGCCGAGGATCGGAAGAAAACATTACAAGAAGTTGATGAGTTCTTTA
ATACAAAGGTGGCCCCACAAGATCTTGTCGACGAGTTGAAGGACATTGGAAAGGCTATATTACCTTTACCTGC
CACTGAGAAGGCGCTACCTGCACCAGCAGAGGCAGCTGTGGAGGTTGCAACGTCCAGTGACACCGTACAGAA
AGCAGAAGCTGTTGTGGAGCCTGCTCCCGAGACAAATTCGGTTGCTAAACAAGAAGTAAAGGCAGAATCACT
GCCCCAAATCTCAAGGCCGCTTTCTCCATATCCTTCTTATCCAGATTTAGGCCTCCGACGTCTCCTACCCATC
GCAGCCGTAATTCCATAATAATTTAGCTGGGAATTGCAGAGGCTATATTAGTGAGTAATTATGGTTGAGCTCC
ATATTTTTTAGTGTTGAAAGAAGGTGTAGATGACAGACTGAGTCAGTGCTTATTATAGTATTCACCAAAAAAG
TATGCTGCTTTGCTTTGCTTTTCTATCACAAAGTCAATGAAATTGTAGTGTTATTCTGTCTCTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2870 NM_147894|Arabidopsis thaliana PNT1 (PEANUT 1); alpha-1,4-
mannosyltransferase/ mannosyltransferase/ transferase, transferring glycosyl groups (PNT1) mRNA,
complete cds

GATTGAGCACAGCCATGGCGTCCTTTAGCTTCGGCTCTTGCTGATTCTCTCAGCCATCTTCAGGTTTGTACTCA
TACTCTACGGCGAGTGGCAGGATGCGAACATGGAGGTCAGATACACTGATGTGATTACATCGTATTCTCAGA
CGCTGCTTCTCTAATGGCGTCCGGAAGTCCCCCTACATGAGATCCACTTACAGATATTCACCATTGCTCGCGT
TTTTGCTCATACCGAACACTATCTCCATCGCTGTTGGGGAAAATTTCTATTCTCAGCATCAGATTTGCTCGTCG
GGTACTTTATACGTACTATTTTGAAGAAACGTGGGGTTCCAGAAAATTTGTGCATCGGTTCTGTTATGGTTTGG
CTTTTAATCCGTTTACGTTTACCATTGGCACCAGAGGAACTGCGAGCCTCTGTTTGTGCAATGGTTCTTAA
GATTCTTTTGTGTCTGATGAACGGTGCCAGTTGCTACAAGCTGCATTTTGGTATGGACTTGTGCTCCATTTAG
AATCTACCCGATCATTTATGCCCTTCCTATTCTCTGATTCTGAACCAGAATGTATTCAAATCTGGTCTGAATCCC

GCTCTACAAAATTGGAGCAAGGGTGATGAAAAGGCTCCTCAGAGCAATTTACCGTCGAGGTTGGCTCATATCT
TTAATCCATTGTTTCCATTAAGATCCATAATGACTAAGGAGAGAATCATTTTTGGCCTAATTTCTGGTTCGATTT
TCATCTTCTGCACTGTACTGTTTTATTATCTATATGGTTGGGAATTCCTGCATGAGGCGCTACTCTATCATCTTA
CACGTACTIONACCAAGACACAATTTCTCAATATATTCTATCACATCTATC

>trans_s_2871 NM_001050638|Oryza sativa Japonica Group Os01g0722800 (Os01g0722800)
mRNA, complete cds

AATTGGGTTTCACATAACAACTAATCCACAAAATTTCTTCAATTTTTCTTCCCCTTTCCCTCGATTGTCTTCCTC
ATTTTCCACTGCTCTTCTTATTTCTTCTTCAATCTCTTCATCTCCTTCTTCTTCAACACCTTCTACTCTCCCTTCCCTT
CCCCCAACTTCTTAAGGTGCTTGGAACAAATGGCCTTGTTACCACCGCAGAAGTTTGTGATGCTAATCCACA
ACTCATTGTAAGTGGTGAACCTCGGGCCCTGAACCAATTTTTAGATATATGGTCGGCGCCAAGTATTTTCAG
GACCAGTAGTCACACTGAAGGTGTTGAAGACAATGTGTTGATTCGTGAGTTTCTCGAGGAGAAGGGTAACG
GCAGAGTTCTTGTGGTGGATGGGGGCGGTAGCAAAAGGTGTGCAATATTGGGTGGCAATCCTGTTGTTCAAG
CTCAAAACAATGGTTGGGCTGGTATAGTTGTGAATGGATGTGTTAGAGATGTGGATGAAATAAATGGTTGCG
ATATTGGGGTAAGGGCACTTGCCTCACATCCAATGAAAGCCTACAAAAGCGGGTCGGAGAGAAGCACGTG
CCGATAACTGTAGCTGGGACAAGGATCATGGATGGGGAATGGCTGTATGCAGATACTGATGGAATTCTAGTT
TCACGAACCGAGTTGTCGGTTTAAAGAAGTGTGATTAATTTCTCTTCAAAGATTCTGATGGCAGGATAATAT
TGTTATACGAGGGCAAGAGCTTGTGAGTAATGGTGTGATGTCTTACTTGTGGACCCTAGAATTCAAGTTCTTG
TTATATTTATCAATAAAGTTGTGTTATGCTTTGAGCTAATTGATGGCTGTGTTCTGTT

>trans_s_2872 NM_127619|Arabidopsis thaliana NFD6 (NUCLEAR FUSION DEFECTIVE 6) (NFD6)
mRNA, complete cds

AGTCAATTCTCTTGTTCATATCCGAAACCAAGAAGAACAACCTTCAGAATCTATCATTTCTTCTCATAATCA
ATGGCATCAATTGGTGCTCGGTCTGCTTCCGGTCATTCTCCGTTTCGGCACGCCGTGCTGCTGCTCACATCGG
TTCTCAACCAAGCCCTCATCAACCTCTCCCTTCGCATGGCAACTAACAAACCCCTCTCTCATCCTACTTTCAGG
CGTGCGCTGTGATGAGCTTCTGTTTGGAGTCAATGATGCCATTTCACTCTGTGTCGTCCTCAGCTTTGATGAC
TTCAATGCTCTCTATCTCGCGCCAGAGCTGCGGTTGGCTCCCCGAAGCATGGAATGATGATAAATGACAAGAG
GATCTATACGGATGGTGACTTCTATCAAGTAGAAGCTTCCATGCTCCAAATGGTGGTTTGTGAAGAAGAGCTT
CCGATCAATGGCAATGGATTATTGTTATTTGAACTTGTCTTTACAATGTTGAGTTTTGCTGTCTAACTGCCTC
TTGTTTTGTTTTCTAGGGCGGTGATTTAATCAGCATGTGTAGCATAAAGGTTTGCAACTGTTGATTTGCCAT
TTTCATTGCTTATTTGTACCTCAAATTCAGATTCTTCATTAGAAGTATCCTAGTTTCGCCTAGATTATCTGAAACC
GTGATTTATGGCTTTCAATTGGATTATTGGTATAATTGACTTTCAATTGGGTTATTGGTAGGATGACCAAAATC
AGAATCTAGATGTGAGAACGGTTTGTGATTTGCCAAGTTTAAAGCATGGGAACAAATATTGTTTGTGTTGGTTTT
CGCTCAACCTTGTCTAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2873 AY496127|Capsicum annuum ribosomal protein L11-like protein mRNA, complete
cds

TCGCAGCACCACATCAGCAACGCCTAAGCCGCAGCCACCTGCCACAGAACACTCCAATGGCTTCGGAGAAG
AAGTTATCGAACCCCATGAGGGATATTAAGGTGCAGAACTCGTCCTCAACATCTCTGTTGGTGAGAGTGGAG
ATCGCCTCACCAGAGCTGCCAAGGTGCTTGAACAACCTTAGCGGCCAGAGCCCTGTTTTCTCTAAAGCGAGATA
CACTGTAAGATCGTTTGAATCAGACGTAATGAGAAGATTGCTTGCTATGTCACTGTTAGAGGAGAGAAGGC
GATGCAACTTTTGGAAAGTGGATTAAAGGTGAAGGAGTACGAGTTGCTTCGTAGGAACCTTATGTGATACTGG
ATGCTTTGGCTTTGGTATTACAGGAGCACATTGATCTTGGGATCAAGTACGATCCATCCACCGGTATCTATGGTA
TGGACTTCTTCGTTGTTTTGGAGCGACCGGGATACCGTGTGGACGTCGCAGGAGGTGCAAGTCTCGTGTGG

GATCCAGCACAGAGTCACAAAGGAGGATGCCATGAAGTGGTTCCAGGTGAAATATGAGGGTGTGATTCTTAA
CAAGTCCCAGCAAATCACTGGTTAACTTCATAGGGTTTTTCCCTAATGGTGGTGAGAGATATTTGCGTTCAAG
TTATAAAATTTTGTGCCTTTGAAATTAGCCTGACTGAAGCTCTGTGTTATTTATTTGGATATTTTGGAGTTTA
ATGGAGATTATTAGGATCAATTCGAACAACCTCTTTAAAGCTGTTGCTAGTCATATGTTTTATTAATTATATTCT
TCAGCTACTTATGAAAATAAGATTACTTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2874 AM711844|Bruguiera gymnorhiza mRNA for chloroplast superoxide dismutase
(sodcp-rpl32 gene), from transcript B

ACACGCATATCTACTGGAAGCCTCCATTTCCAATCTCCCATTATCCCATTATCATCGGCAGTTCCCCATAGCTAA
TGCAAGCAGTCTTGCAGCTATGGCCGCACAATCCCTTCTCTGTTTCCCTTTCCAACATCATCGCATTGCCCC
CATTCTCCAATTCTTCCTCTTCTCTTTCTCTCACCTCTTCTTCCATGGCGCCCCTCTCAAACCTCCCTCGCCACTCC
CTCTCCCTCGCCGCCTCCGTTGCCCCAAACCCCTTGCCGTCGTTGCCGCCTCCAAGAAAGCTGTCGCTGTCCTC
AAGGGAACCTCCGACGTTGAAGGCGTTGTACGCTCACCCAAGAAGACGATGGTCCAACATCAGTCAATGTG
CGTATTACCGGGCTCACCCAGGTCCTCATGGATTCCATCTTCATGAATTTGGAGACACAACAAATGGATGCAT
TTCTACAGGAGCACATTTCAATCCTAACAAGTTAACGCATGGTGCTCCTGAGGACGAAATCCGACATGCGGGT
GACCTGGGAAACATAATTGCCAATGCTGATGGAGTAGCAGAGGCAACCATTGTAGATAACCAGATTCCTCTTA
GCGGCCCAATTCTGTAGTTGGAAGAGCCTTTGTGGTACATGAGCTTGCGGATGATCTAGGAAAAGGAGGTC
ATGAACTCAGTTTAACCACTGGCAATGCGGATGGAAGATTGGCATGTGGTGTTCGGTCTGACTCCTGTGTG
ATGGTGACAAACGAACGTGTGTAGCCTATGAGGTCGGTACAAGGTATATGGAGGCACTATTATATTGTCAACG
ACTTCTCCACAGTCTCGAGGTTCTTTCTTTGTTCAGCACATAAAATGTAGTCTTGG

>trans_s_2875 XM_002864864|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C/VIF2, mRNA

ACCATTTAAACAACCAAAAAGAAAAAGAAAAAAAAAACCATCTCCTTCATCTCTCTCTCCTCAAAAAGAAGCC
ATCTTTGAGGGAAATCTCAAATGGGTATGAAGAATTTCTCATTCTCTCATTTTCTTTGCAATCCCATTAATCTT
TTTCCACAAAATGGAGTTTCATTAGCATCAGCAGACCAAACCTAATCCAAAAACATGCACAAACACTCTTT
ACTACAAACTTTGCATGTCATCCCTTAAATCCGACCCTTCAGCCTCACTGCCGACACCAAAGGCCTCGCCATC
ATCATGGCTTCTATCGGTGCCGCTAACGCCACCGCCACCTCCACCTACCTCTCATCTCAGCTCCCTACATCCTCC
TCCGCTGCCACCAACGCCAACAACAACAAAACAAAACCTGTTGAGACAATGCTCCGAAAAGTACGCATTTGCAG
CTGAAGCACTTAGAGAATCTTTGAAAGATTTGGCCGATGAGACTTATGACTATGCTTATATGCATGTTTCTGCG
GCGGCGGATTATGCCAATGTTTGCCGTGATGCCTTTAAAGGGTCCCAGCGGTGAGTTATCCGGCGAAGCTTG
GCCGGAGAGAAGAAGGGTTGAAGCGTATTTGCAGAGTGGTTTTGGGGATTTTGGATCTTCTTGGCTGGTGAT
TTTCATCAATCATTATGTTCTCTCTAATCATATTTTGTCTTTTCTTTTACTTTAACTTTTGTCTTTACTTTT
TTTTGGGGTAATAAACTTGTTTGTCTTTTAGGTGAAACGTTGATGATGTGTTTTCTTTAAGGGATTTAGTTTA
ATGACTCTTTATTTGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2876 NM_125920|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L29 family protein (AT5G65220)
mRNA, complete cds

GTAAATAGGGGTAAGAGGGGTAATAGGGGATCTCGAAAAGTAACAATAGAAGTGCTGGGAGCTTATCTCATT
CTTTAGTAGCAGAGCGCTCTTACAACTTTGAAGATGATAAACCTTTAGTTGCTTCTTACCTTCGGCCCTTCC
AATCCCTTCAAATTTCTTAATTCGACTTCAAATCCTTCTTCAATGGCCTTCAAATCCGTTTCCCATTTTCGTTTT
GCGTTCCTCTAAACTGCAACTACTGGAGGAGGCCGAATTCATCGGTGGTAATGATGGCCAAGAGGGAGG
AGGAATTGAAGGATATAAGGGCCAAACTACTGAGGAAATAAACGAAGAGGTCGTCGATCTTAAGGGTGAA
CTTCTTATGCTTCGTCTTCAAAATCAGCCCGCAATGAGTTTAAGTCTAGCGAATTCGCCGCATGCGCAAACG
GATTTCTCGGATGCTAACAGTAAACGTGAGAGAGAGATTGAAGAGGGTGTGGGCAAAAGGATGTCAAGAA

AGTTAGATAGAAAGTGGAAGAAAAGTATTGTTGTCAGACCACCTCCATCTCTGAAGAAGTTGCGAGAGGAAG
AAGCAGCAGCTGAAGAAGCTGAGAAATCTGCTTGAACGAATCAGATACATGCTCGCATTCAATCTTTATGAGT
TTGAAGTTGTTGAGATTTGAGAACGCTGTTTAAAGCAACACTTTAGAAAAAAAAAAATTCCAACTTTAAACATTC
TGATTCTTGACTTAGCTTATGCACAAATGAAAATAGATTCGAGTGGATCATGTTGAATTTATATGCTTTCACT
CCTTAATTTAAATTAGATAAAAGGTATGTTTGGGAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2877 DQ787053|Glycine max bZIP transcription factor bZIP117 (bZIP117) mRNA,
complete cds

ACATCATTCTCTCAAAGCTTCTTGCGCCATGAAAGCAGGTTGGTCGTAGAAATCATCAGGACACAGGACTGC
TACTTGAAAATTGTTGAATTATAGTGGTTTGGTTTCAGCTTCGGTTGATGGGGACAGGGGAAGAGGGGCACGC
CTTCTAAACTTCCAAACCTCCCTCTTCATCCCAGGAAATAGCTCCAACACCTTCATATCCTGATTGGTCAAGCT
CAGTGCAGGCTTATTATGGTGTCTGGTGTCTACTCCGCCTCCCTTCTTTGCATCTACTGTTGCTTCTCCAACCTCCC
ACCTTACCTCTGGGGAGGTGAGCATCCTTGTATGTCACCTTATGGGACTCCACTACCTTATCCAGCTATATATC
CTCCTGGGGGAGTTTATGCCATCCCAATATTACTGTGACTCCTGGCTCTGTACCAATCAATGCTGAATATGAA
GGGAAATCCCCTGATGGAAAGGAAAGGGCCTCAAAAAAATCAAAGGGCATGTCAGGAAATACTGCTTCAGGT
GGTGGTAGGACTGGGGAGAGTGGAAGGTGGCTTCAAGTTCTGGAAATGATGGTGCTTCTCAAAGTGCTGA
AAGTGGTACCGAGGGCTCATCAGAAGGCAGTGATGAGAATGCTAACCAACAGGAAATTGCTGCAAATAAGA
AAGGAAGCTTCAACCAGATGCTGGCAGATGGAGCCAATGCACAAAACAACACAGGTGGACCAAATGCCAAAT
CTTCAGTGACTGGGAAACCCATCGCCAACATTCTGGAATAATCTGAACATGGGAATGGATTTGTGGAAAAA
CACCAATGCAGCTTCTGGGGCTGGAAAAGTGAGAGGAAATGCTGTCTCATCAGCTATTGTTTCTGT

>trans_s_2878 Novel Gene

AACGGAAAATTCTCCATCTCCCGAAGGTAATCTCATTCTGTTCTTCCATCTCCCTTCTTCTACGGATTCTGAATC
TATATAATAATCCTTCTTTTGGATTTCTCACGATTCTGCTTTCATTCTTCTTCTTCTACTCCCTCCCGGTATCATCA
GCTATTTAAGCACCTATTAGATCTGCGTTTCGGTACTCTTCGCATCTCTCCCTATAAGATTACCAATTTCTTTGAA
TCAGCTGAGTATGTTTCTTTTCGAGGCAGACGCTAGTTTTATACAAGTTTTCAGTTGTTGGTTGTACATCAGTCGT
TCAAATACTGGAACGTCTTCTACCAATTCATTCCATTTCTTATCAAGTGATTTTGGTTGGTTATATGTGGAATA
TGTTTGCCTAGATTGGGGTTTATGCTTCTTTATTTTCTTCTTTTAAATTTATTATCAATTTTGTCTTCTTTGTCCA
TCTTATGGGATGACTTGACAAGTTTTTTCGTGGATATCAGATCGTGTTTAGTTGTTCTTGGACTTAATAATATTA
TGCCAGAAAGTTCTCTGCTGGAGTTTGATATAGGGTTCATTGTGTTGGATTTTCCCTGATCCAATCTTGACACG
TGGATCGTCTGAACTTTTATGGTTAAAGTTTGAACACGAGAGCTTCTAATATGTTAGGATGGGCATGCAGGAT
TTAAGATTTGGATGCTGGTATTATGATATTTTCGAATGGAACCATGCTGCATCACTAATTTTTTACTTTTCTCT
TGCAGATTAATTGGTTACTACGACAGTCTGTCTGCTGCTATTTTGCATATTGCATCTTTTTGAAGAATACTAAAG
TGTTAGTATCCATAGGCTGCAGAAATCGAAAGTACTTCTC

>trans_s_2879 NM_106331|Arabidopsis thaliana eukaryotic translation initiation factor 2 family
protein / eIF-2 family protein (AT1G76810) mRNA, complete cds

AGAGAGCTTCCTTCATTTCTCTCTTCTCTGTTTCTCACTCTCACATAGACCGCAGCTGCATCTCACCGGCGTT
TATTCTTCTGCCACCGCTGCTTGCCGGCAACGTCTCCACCGTCACTTTTCTTTCTTTCTCTGCTTCAACTCCAC
GGCGCCACTCCCACCCCACTCCATCTCCATCTCTTAGTCGTTGGCCGCCGTGCTTGAATTCTGTTTCTTTTGG
ATTAACCGATCTTCAATTAGGGCGAATTTAGAATTAGGTCAATCTTTAATTTGAATTCCTGCCCAATCGGGATT
ACGTTAGACGGATTTTTTTTGGGGATTGAACTGGATTACCAATCGGACTGAGTTTCAATCGCTAGCTTTGTTA
TATAAGATTTTGCCTAGCCCGACGAACCTTTCCAGATTTCCAATCCCAAGCGCTAGCTTCGTAAACGTCTC
TCTATCTTCACTAGCTCACTTATATTATATCTCTCTGGATACGCTTCATCTCTTCTAAGGATTCTTGGGGCGCTAT

TGTTGGTGGTTTAAGGGTTTCAATTTGCCGATATTTCTATGGGTGCGAAAAAGCCTACCGCAAGGGATGATGA
CAGCGCCCCTGCGGCAGCCCATGGTGGTGGGAAGTCGAAGAAGAAGACATTTGCAGTAGACGACGATGAGT
ACTCCATTGGAACCGAGTTGTCTGAAGAAGCGCAAATTCAGGAGGAGAAGGTTGTGATACTGGGAAGAAA
AAGGAGAAAGAAGGAGAAGATGATGGTGGCAAAGAAGAGAAGAAGAAGACAGAAGAGAAGGAGAAG
AAGAAAAAGGAGAAAGGAGAAGAGATGATAGCAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2880 AY370529|Petunia x hybrida MADS-box protein 15 (PMADS15) mRNA, complete cds

AGGGGGAGAAAGAGGAATTAGGGTTGACTCTCCAAACACACATACGAGAGAAAAATGGGACGCAAGAAGAT
CGAGGTCAAGCTAATCGAAGATAGGTGTAATCGCCATGTCACTTTCTGCAAGAGAAGATCTGGATTGTTGAAG
AAGGCCAGAGAGCTCTCTGTTCTTTGCGACGTTGAGGTTGGAATCATCCTCTTACCAATCGCGGCCGACTTTA
TGAGTTTTGCAGCGGAAACAGCTTACTGAATATTATTATGCGCTACCAAAGCCACCTTCAGGGGAGAAATGAA
AGTCCAATTGACAATGACCTTCAAGGAAGAAGTGAAGCCTAATTGATAGTGATGCAAAGGATCATGTATCTG
ATGAGACAATCTTGGATGTATCTGATGAGACAATCTTGGTTTCACTCAAAAAGCAACTACAACTATTCAAAGT
CAGGTTGAAGAACCAATTTCAAGAAGCTCGATATAACTCAGATGGTGCAATTGGAGAATCACTTGAAGGC
ACACTTGACAAAATCAAATCTCAAAGAATTGAGGCAATGATAGAAAATGATGACTGTTGGACATACGACATG
GAAATAGCTATGGGCATGATCAACAGCCCCGCCATTTAATTAGTGAAATATGCCACAACTATGGTTGTGGTTG
TCCCACCAAATAAAATAAACCGAAGCTGCATAACTCTATGAAATCTTAACACCTTCTGACCTGCAGAAGCAAA
TATGCATAATATGTAACATATGAGTACGACAGTTGTAGCATTCTCAAGTTGTATGCTAAATGAAACCATGCAT
CAAACACTTAATCGATGCTTCTACTAAGCCTTATTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2881 Novel Gene

TTCTAGAGCGATGTGTTGGTCCTCACAAATCCAAGGATGATTGCTTCCCAGGAGGGATACGGCGATCTGTCAA
CTCGATCTTGCAATGTTAGTAATGTCTCGGGGCTCAAGTGATTCACCGAAGCGACGAGACCTTGAAAGCAGCT
TTTTCAAGTGTCAGTAGCGGGACGTTCTGTCAATCGGGGAAGGTTTTTGGTGACAAGACCTGGAGATATCAGA
AGTGAGAAATGCTGACATGAGTAACGAGAAATCCTGTGAAAAACACGATCGCCTGCCAGTGGAAGGCTTTCTG
CGTTCAGTCAATCTACGCAGAGTGAATCGGTCCCTAAGGAACCCCCGAAAGGGCTGCCGTCCGATGGGTACA
CGAAAGTGACGAAGTAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTGTCTGTTGGAGCGAATAGGATGATCGGGCCGAG
GGCAGCCCCCTCTCCCTCACTCTCCTTTCCCGCTCCGTGGGATTCACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACT
CGGCCTGGTCCAACTATTTTCGTATAGTCAATGCGGCAGAAAGGCGAAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCT
ACGTGGGGGGGCGGACACCTTTTTTTGTTATCTAAAGGCTTTGACTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCG
GGCGAGGCGGGCTCCGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTCTGTTTTC
GAATGTCTCGTTCAGCCTCACGAGTCTACAAGCCTTTCTATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGGTCCCAG
AGAGCGTACCGCCATAGTCGTGAGTCTGTGCGCAGAGAGATGAGCGTAACGACTTCTTGCATCGCT

>trans_s_2882 NM_112949|Arabidopsis thaliana plastocyanin-like domain-containing protein
(AT3G20570) mRNA, complete cds

GGCACCGAAAAGGGTACTCAGCCTCCTGTTAGTTCTTGGTGATATTTACATTTTGGGATTTTGGGAAGAAATTT
AATATACTTTCCATTTTAAATTTGTAATGGCTAAATTAGGGTTTGCATTTGGGGCTGTGGTTTGTGTGATGATG
TTTTTGCAAAAAGGTGAGGGCACTCAATTCATAGTTGGAGGAGCAAAGGGATGGAGTGTTCATGGCACAA
ACTTATAATCAATGGGCAGAAGCAAATAGGTTTCAAATTGGAGACTCTTAGTATTCAACTATGATGCTGGCC
AAGACTCGGTGCTTCAAGTAACCCAAGATGACTACACCAATTGCAACATTCAATCTCCGATTAAACAATATTCT
GGTGGCCATTCCGTTTTCCAGTTTGACAAATCTGGGCCTCACTATTTTCATCAGTGGAACAAAAAAATTCCT
AAAAAATGAGAAGCTTGTGGTGATTGTGTTGGCTGATAGAAGCAATTCAATTTCTAATCAACCACCACTCCTC
CAATCTCTGCTCCATCTCCATCTCCCTCAAATTCTACGGAGCCAACACCTTCTCCTGCACCGGCAAATGCTCAA

AGGGTGCGTCTTCTCCCCCTCCATCGGGGTCAACTGAAATTAACCCATCTACACCACCTGCTGAGGAACTCAAT
CCATCTCCTCCAACACTACTGGGGGAGAGTCTCCGTCTCCATCTGCAGGGACTGTTGAGATTAACCCTGCACCTCC
TGTATCAGGGCCACCACCAAGTGTGGATATTGATCATCCCGGTAGCATTGGCTCCTTTGGAGCGTTTGT
GCTGCTGTTTTCTTATCTTTCTAAGTACAGAGATGTATTCTTTTAAATCTTGTAAT

>trans_s_2883 AM265613|Beta vulgaris mRNA for cytochrome B561-related protein (c561R gene)

ATAGCAACAACCTACAAGGGTGGCTTCACCATTGTGCTTTGTTCTTTGCGCTTTGTTTCATCAGAACCAAATAA
ACAATGCTATTTTTGCAGAAGAAGGCTTTTGCTTTATCCATCCCTGCAAGTTCAATACTTTGTATCTTTCTTCTC
TCACATTTCAGCAAGTCAGCTCATCTCAACAGCACAAAAATGAAGACATGATTCATTCAAGCAAGAAAGA
CAACAGCCAAAAGATGAGTTCCAGCCTATTGTTTGATATCACACTCCATGGGTTTCTCCTATGGGCTTCAATGG
GATTCCTTATGCCTATAGGGATTCTTGTTATCAGAATGTCTAACAGAGAGCAATGTGGAAGAAAGCTGAAATA
TTACTTTTACATTCATACAATTCTACAGATACTGTCTGTATTACTAGTCACAGCAGGAGCAGTGATGTCTATCAA
GAAATTCACAATGCTTTCAATAATAGTCACCAAAGGATAGGGATTGGCTGTATGGGATGATCTGGTTACAG
GGGTTGATCGGAATTGTAAGGCCAAAAAGGTAAATTTTCATATTCATACAATAACGCGCCAACTAGATTATTC
TTAGAAAGAGTTATTAAAGTCTCGTTTGTAACCATTTTGTTTTTAAATTAAGTCTATAGATATTACCTTGGA
GTTCCACCTTGAAAATAAAAAATGTAACCTTTGAAAAGTTTTTGTTCTAAAAATTTGGCTAAGAATTCAGTCAC
TGTGCTTAAGAAAGATGCAATCATGGTAAAAATGGAGATGAAATAGACTAAATTTTAAAAATAAAAAATACA
AAACGAGGTTAAAAATTGTTTTCACTCTATGTTGTTCTATATTCACGAGTGTTT

>trans_s_2884 Novel Gene

ATGGTTAACCAGACTTTAAGCTGACTGTTATAAGTGTGCTATCAAGCGTGGCGGAGATCGAGTGAGAATCCTT
AACCTTAGCTGTTAGTGTTCTATACAATTGGTCTATTTCTCTGAAAATGTATTTTGTGTTGTTCAAACCTAAAG
ATCGATGGATTTGTTACAAGCATGTTGGCTATAGTCTTCTAACTTAACATGTTTGGCATCCATGATGCGGTTTG
TAGAATTATGGTCAGTGCATCAGTTTTGAAATTTGCCATGGTTGTCTGCGTTAACTACGTTGGTTTTGTCAACA
GTTTTAGTGTTGTGAGTATTCAAGTGTTGTTTTTCTACGCGTAAATGTGAGAACATAAGTTAAAGTCATTAC
ATTGTGATGGATGTCACGGATTGAAAAGTGGATTTGGACTCTCCGGAACCCCATAGTTTTGGCTTTACAGATC
TGTCTCTGGTGTCTAAATTGCTTGCTATGGTAAATCGATCTTTGTTGTTTTCTTAGAGCTAGTGAATATATCCA
GCAAAATCCTGCCTATATCTAATTTTGAGTGTTGAAGGGGTTTCTTGCTGTTTCTTTTTATTCAATCTGACAA
GTTATTATTGCTGTAAGTTCTCTATTATATATTTTCACTTTCCAAGTTCTAACGCGCTTCATTTGCGCCTAAAGTC
CAACATGAAGGCGCGTTTGGTCTTGGTCTTGGTGAATAATCCGTAGAACCAATCTCAAACCATTTGTCCGG
CTTAAAAAATGCACTCATTACAAATGGAGGAGGTTTTCTGAACGCTGGTTTTTATGGTATCTTATATGGTTCTC
ATTACTATACATCCAAATTAGATCAGTATATTTGATGTACTTAATAAGTTCT

>trans_s_2885 NM_101570|Arabidopsis thaliana SOUL heme-binding family protein (AT1G17100)
mRNA, complete cds

ATCTCACTCACACTACTGTGTGGCTCATCTTTTTAAGTTTTATTATCCTTCTCTCTCTTCGACGAGTGGAATT
TCTCGATGGAAATGGGGAGACTATGGGTTGTGAGCTTGGTGATGGTGATCTTGACGCCGGCGTACTCGGAGT
TTCCTCCGACATGCAAGCGCATAGAGTGTCTAGCTACGACGTCATCGAAACCGGCGATGGGTTGAGATTGCG
GCGCTACAATTCACCTGTTTGGGCGTCCACTGCTCCCATTCGGATATCTCTCTCCATGAAGCCACCAGAGCAG
GCTTTCTCCAATTGTTTGATTACATTCAAGGAAAGAACAAGTACAACGAAAAGATAGAAATGACGGGACCGGT
GATCACAGAGGTTTCTCCGAGCGATGGACCTTTCTGTGAATCGTCATTTGTTGTCAGCTTCTACGTTCCGAAAA
TCAACCAAGCAGATCCACCACCAGCCAAAGGGCTTCATATACAGAGATGGAACCTAACATATGTAGCAGTTAG
ACAATTTGGAGGATTTGTTACTGATGCAAACATTGGAAGTGAAGCTGCTGCTTTGGATGAAAGTATTTTTGAT
ACAAAGTGGGGTGCAGCAATCAGCAAGAGCCGTGGTGCTGCCGGTCTTCCCTTTATACTGTGGCTCAGTACA

>trans_s_2886 XM_002875438|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family protein, mRNA

>trans_s_2887 M75731|Nicotiana tabacum ribosomal protein L27 mRNA, complete cds

>trans_s_2888 FJ426562|Populus tremula x Populus tremuloides glutaredoxin S12 mRNA, complete cds

AAAGTGAGAAAGTGAAACCTTTTGATAGGTTACAACAAATTGAGAAGATGAAGAATTGGAGCTTGAGCTTGA
AATCAATGGCGGTTCTTCCAATTTACCTCCGTTCTCCTCAAATTCCTCGCCCTTTCTTCTTCTTCAAAGC
TTCCGTTTTTCCCTCCCTTTTACAATTCCTGCACTTCAAATCCATTTCCATCTCAAAACACAATCCCTCAATG
GCTTTACGAGGACTAGATCCATGTCGATTCAATCCGTTTCTTCTTCTCCTCCTCCTCCTTCTTCTTCTTT
GGTTCTAGGCTCGAGGAGAGTGTCAAACTACAATTACACAGAACCCAGTTGTTGTTTACTCCAAGACATGGT
GTTCTGATTCTTCTGAGGTAAAGGCTTGTCAAGAGGCTTGGAGTGCAGCCATTGGTCATTGAATTGGATGA
ATTAGTCCCCAAGGGCCACAATTGCAAAAGGTACTTGAGAGGCTTACAGGACAACATACGGTACCAAACGT
TTTCATTGGGGGCCAAACATATAGGTGGTTGTACAGATACTGTGAAACTATACCGAAAAGGAGAACTCGAACCT
ATGCTATCTGAAGCTAATGCTAAACATTGAGAGGCATAAGCCTCAAGGCACATTTTGTTTTCTGAGCCATTGG

TGACTGACCTGTTGTTGATGTTTTCAATTCTACCTCAAGAGACACTTATGTTTTTAGTTAGGAAAATTATGTATG
TTAAGCTATTTGTGGATGAAATTGGTACAAGGAACTCCAACCTGTGCCATGAATAAAAAACATTTATTACCAT
TTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2889 NM_102166|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein
(AT1G23180) mRNA, complete cds

TCTTGCAATTTTCAGCAGCCTCCCGACTATTAACAAAGCTTCTAGACTCTGAAAAGTTCAGCAACAAAATAAACT
CTACCCTTTTCACTAAATTGCTTCGTAAAATCCTTAAGTCGGACATTCCCATCAACCACAAAGATTGGATTGCTG
CTTGCTAATCAAAGTCAGTTCCATCTCGACGCTGAACCCAGATTCCGGAGATCCTATCAACATGGAGGTCAC
CTATACGAAACAATACCAAGACTTATTGAACAGATTAAAAGCTCCTTCTCATTGGAAGTTCAGGAATCTGCTGT
CGTGGAGCTGAATAGAATAGTCTCAGAAGGAATGGTCGATGCTACCCGAGCTGTTGCTTTGAAAGGCGGTAT
CTTCCATTAGTAAAGCTGATCGATGAAGGAAGTGAGAGGGCAACAGAAGCAGCCTTAGCTATACTTTATAAT
CTGAGCATGGACAGTGAAAATCATCCAGCAATCATAGCTGCTGGAGCTGTGCCAGCATTGAGGAGAATTGTT
CTATCACAACGTGTGCAGTGGCGACAAGCTCTTTATTTGTTGAGGACGTTGCCAACATGAAAAAGGTACGCA
AAAAGAAGCATACGGAACAGAATTATAGTGGATAATTCAAATTTTTGTAGTTTTGTACCAATATCAGTCACTT
CAACTTAAACAATGTGAAACTGAATAGAGCAGTGAGCTTAGAGTGTTGTATAACATGACATTTCTTATTTGAT
CTGAATTGTTGATGTTTATCCAGAAAATTCTGGAATTAGGTAATAGGGTTGCCCTCATTATGCATCTTCTCAGTT
CTTTATAATATCTTCTAAGGTTACCATAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2890 NM_102471|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT1G27090) mRNA,
complete cds

ACCACCTTTCTTGGTGGTGCTCCGACCATCCCATTTCTTCCACCGCCTTCACTGGACTTAACAATGGCGGCT
CTCGCTCCCTCTGATGTCTCTGATGGACCAGTCTCAGCCTCATCAACAAGCGTCTCCGCGCCCTTCGCAAGAA
ACACAATCGTATCCTTCAGATGGAAGAGGCTATTTCTCAAGGAAAGCCTATCAACAAGGAGCAAGAAGAAGT
CCTTCGCTCTAAGCCTTCTGTTACTGCCCTCATCGACGAACCTGAAAAGCTTCGACTGCCTTTATCATCGGCTGT
CTCTGAGGAAATCTGCTTGGCTGTACAACGTCAACAGGCGAGTGTTTCCTCTCAACCTGTTTCAACTGATGATT
CGCTACGGAGGTTAGGGATGAAAACGACAGTGATGTGAAAGACCAGTCCGAACACGCCGTGGTTGAGGAC
CTTTAAACCTTCTCTATTTTGGCTCTTTGTTTGATGTTAAGTCTCAAAGCGATTTCACTTCTACGATGCTTACGA
GAACGCATGAGAGAAGTTGTTGCATCACCTACGATTATGTCACTGACGATGCTACCGATCTTCTCGTTGAGAG
GGATTTGGATTTGATATCGATGGTGAGCGGCCTATTGGTCTCTCGTCCCGTGGATTTCGAATTTGCCTCATAAGA
ATGCGTTGGAGCGTTGCATCGAGCACGCGAACTCTGGCTCATGAAGGCTGATCAACCTATTGAACCCAACAC
GGATGTTACTTATGCGAACTTAAGAGAGAGGCTGCACAAGATCATGGCGTCGGATTACTTCACTACCACGCTT
GAGATAAAAGGTCCTGTTGAAGTAGCTGCTGTTGCTGCANGAACTATGCCAATTTTC

>trans_s_2891 X62124|S.tuberosum cycl gene encoding cytochrome c1

ACCTTCTCAGCATACTCCTGTTTGCTTTCAGTCTGATAATCCCATGGGATCACTTTGTAGAACTCGTAACTGAAA
TGGCTGGGGGAGGAATGATCCGGCAATTGCTGAGAAAAATTTTCACTCAATCTTCAACCCCTCCATTGAACTCA
TCACTGATTTCAAAGAATCAGGAAGCTGGCTTTGCTGGGATGAACTCTTTAGAAAGGCTGGCTCTCCTTGGGG
CAGGCGTTACAGGGTTTTTTAGTTTTGCAACTTTGGCATCTGCTGATGAGGCAGAGCATGGTTTGGAGTGTC
AACTACCTTGGCCTCACCAGGGCATTGAGTTCATACGATCATGCTTCGATTCGTCGTGGTCATCAGGTTT
ATCAACAAGTTTGTGCATCCTGTCAATCCATGTCTTTAATATCATACCGTGACTTGGTTGGTGTTCATATACCG
AAGAGGAGACAAAAGCAATGGCTGCTGAAATTGAGGTCGTTGATGGACCCAACGATGAGGGTTAGATGTTT
ACTCGTCCAGGTAACTCAGTGACCGGTTTCTCAACCATATGCAATGAACAAGCTGCTAGATTTGCCAACG
GTGGAGCATACCCTCCTGATCTGAGCCTTATCACAAAAGCTCGTCATAATGGTCAGAATTATGTATTGCCCCTT

CTTACTGGTTATCGTGATCCACCTGCTGGTGTTCGATCCGTGAGGGTCTGCACTATAACCCTTATTTCCCTGG
GGGAGCAATTGCGATGCCTAAGATGCTTAATGATGGAGCTGTTGAGTATGAAGATGGTACCCCTGCCACAGA
AGCACAGATGGGTAAAGATATTGTATCATTCTTGTCATGGGCCGCGGAAACTAAATGGG

>trans_s_2892 NM_001073564|Oryza sativa Japonica Group Os12g0562900 (Os12g0562900)
mRNA, complete cds

TTATTATTACTTTTAATTTTGTGGAGGTTTTGGGTTTTTCCCCAATCGGCAATGGCCTCCGAATCGTCTTC
TTCTTCCGGCGCCGTCGTAAGTACGAGAAGAGGAATCCGGCGGGCTCAGTTCGTGGAGGATGTTCTGTACCTAT
CTCTCTCAGTTACAACCTCGATGTTCAATCCGCCCTTGCTTTCTTCAAGAGCGACTTCAGCAATACAAATTAGTT
GAGATGAAACTCCTTGCTCAACAAAGGGACCTGCAGGCAAAGATCCCAGACATAAAGAAGTGTGGATATA
GTTGCTACTTTACAAGCAAAGAAGGAGGCAGCCACTGGTGAGCCACTTGTAGCAGATTTTGAGATCTCTGAAG
GCATATATTCTCGGGCGCGTATCGAGGAACTGACTCAGTTTGTCTGTGGCTTGGTGCAAATGTCATGCTGGA
TTATTCATATGAAGAGGCCATAACCCTTCTACAAAAGAATCTGGATAATGCTAAAGCGAGTTTAGAAGTTCTTG
TTGCCGATCTACAGTTTTTGAGGGACCAGGTGACAATAACTCAGGTGACAATAGCTCGTGTTTACAAGTGGGA
CGTTCATCAGCGTCGAGTTCAGCTAGCTGGCGCCAGTGTAGAAGACTCGTAAGTTTTTCATGGGCAGCCCTAAA
AAGTTCCATTGTTGGCAGAGAATCCATTTCTGATTGGCAGTTCCTGCTCTGATCCATACCTTTGAATTTAGGCC
GTTCAAAATTTCCCTTTCTTGTCATTGTCAATGGAAAATGAACCTTTTCATTCTGTTGGTCTTAAGCGCACCTACA
CTTTCACATAATACTCCCCATAACACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2893 NM_111014|Arabidopsis thaliana CYP38 (cyclophilin 38); peptidyl-prolyl cis-trans
isomerase (CYP38) mRNA, complete cds

CAGTTACATAACCGAACACCGCGTATCGACCATCTAATATGTTAGCATTACTAGGAGTAAGTTCACCTTTCTTTC
AGCAGCCAAAACACCTGACTAGATGCTGAATTGTTATCAAATTCCTCTCTAGCCATGGCCATTGTTCCAAATGC
ATTGAAGGGAAGTTTTGTTGAGCCTTGTAAGACCAAGCTCTTCCAATGTTTCTCCATAGAAAGGCGCTTCT
CCCCTTCAACCATGATTTCTAATGGTATAGTTCGTGTTTTCTCGGTACTTGGATCGATGAAACCCTCTGCAGGA
CCTTCTGGATCACCAGTCTGAACAACAAAACCATCCGCTCTCTGAATTTCCATGCCGTCGTAGAAGTGTCTTTC
AACCAAGTCGACAAAATTCCCAGCACTTACTGGTGATTATAGCCATCTAAACTATATGGAAAACACACTCGT
CTATGTTTCGGGTTGTCCTTCACTTTGACCTTCATATCCACAGCTGCTCTCCCTTCAATAGGGGCATATTTTGT
TTCCTCGGGCACTTCGTATGGGAAGCCATCGACCATATCCTCTTCAACACTGCCAACATAATTAAGAAGCTCCT
TTTGTTGGTGCAACTGCATCTCTATCTGTCTTCCACAATCTGTTGGAGCTCATCTAGTCCAACCTCCAGTTT
ACCAAGAACTTCGACTCCATGTTCTTCTCGATTCTGCCAACCCAGATATGATCAAATCTTCCCCTGCTTGAG
CGTCCGGGATGCCTGCCTCACATTTCTCCACAGAATCAAGTGCCTTGACTCCAGCAATTTTAAGACTTTCAG
AAATGTCTTCTAGTGGTTTTTGAACCTCCCTAATGGCTTTATTATCAAT

>trans_s_2894 AJ421412|Nicotiana tabacum mRNA for alpha-tubulin (tubA2 gene)

GGAATTCGTTAACATCCACGTCCAATGCACCATCAAACCTCAAAGTGGCAGTTAAAGAGGAAATGACCTGAGA
TACAAGACGGTTGAGGTTGAGTAGTTGGGTCGCTCAATGTCGAGGGAGCGCTGCAAATATCATAGATGGC
TTCATTGTCTAGAAGCACCGCAACATCAGTGTGTTCCAAGAGAGAATGGGTGGAGAGGACACTGTTGTAAGG
CTCAACAACAGAAGTTGAGACTTGTGGAGAGGGGTATACAGTGAATCCAAGCTTGGATTTCTTCCATAGTCA
ACAGACAAACGTTCCAAGAGGAGGGAGCCGAGACCGGAACCAAGTACCACCACCGACAGCGTTGAAGACAAG
GAATCCTTGGAGACCAAGTGCAGTTGTCAGCAAGCTTGCGGATTCTGTCCAAGCAGAGATCAACAATTTCTTT
CCAACGGTGTAGTGACCACGTGCAAAATTATTGGCAGCATCTTCTTGCCGCTGATCAGCGAAACAGGGTGG
AGAGCTGGCGGTAAGTTCTGTCTCACCTCATCAATGACAGTGGGCTCAAGATCAACAAAAACAGCGCGAG
GAACGTGCTTCCGGCACCAAGTTTCACTGAAGAAGGTGTTGAAAGCATCGTCACCTCCACCGAGAGTAGTGTC

GCCTGGCATTGGCCATCGGGCTGAATACCATGCTCAAGGCAGTAGAGCTCCAGCAGGCATTCCCGACCTGG
ATACCGGCCTGACCGATGTGAATTGAGATGCACTCTCTCATTTTGGTTTAGAAGAAACGAAGAAGAAGAGATC
TGAGGGAAGAAACGGAGAGAAGGAAGGAAAATATCTCGCGAGAGGAAGAAAGACGTTTGTGAAGACGCT

>trans_s_2895 FJ071346|Pinus taeda isolate 4720 anonymous locus 0_3683_01 genomic sequence

AATTTTTTTCATTCCACCACAACCTCTCTCTCTTCCATGGTTTCTTATAATATCCCAAACCTCTCTCTCTTTTTTT
CTCCCTTTCTTCCACAACCTCTTATTTCTTTCAATGGCTATGAACACAAACAATACTTTATGTTTAGTTTCAGCCA
TGGATCGCCTTTGGTACCACCAAATCATTCTTTGCTCAGATCCATTCACTTCCATTTTCCCAATTTCTTAACTC
AACATCTTCTTTCTTTCACTAACTTCGTCCCTTCTTCCCACTATCACCTCTAATGGACCAAACAATTGATCTA
GTTCTTCTCTCTCGTCGTCCTCTCCGACAACATCTCCCTCGTCTCACAGTGGGAAGAAAATTGAACAAATCTA
CAAGTTGCAAAAGTTTAGGGGAGTTAGAGCTTGAAGAAGTGAAAGGGTTTATGGATTTAGGGTTTGAATTTA
AGAGAGAAAGTTTGAGCCCTCAAATGGTGAAGTTGGTACCTGGTTTGCAAAGGCTTAGAACTCAAACAAACA
AACAAAATCTCGAAGAAGACGACGATGGCGATGGCGACGACCACCAAGAAAATGATGATGATGATGATGAG
AAGAGAGAAATAGCAAGACCATATCTTTCAGAGGCATGGATAATAAGAAGACCAAATTCTCCTCTTTTAAATC
TAAGGATGCCTAAGGTTTCTTCAACCTCTGACATGAAGAAACACCTCAGATCTTGGGCTAAAACCTGTTGCTTTT
GAAATTCATAAAAAATACTTCGACTTAATCATTTCGAAATTTTCACTTTAATTTTAAACAATATCTTTTTTATAAA
CAGCAACATGAATTCCGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2896 AY123986|Arabidopsis thaliana AT5g18400/F20L16_120 mRNA, complete cds

AAGTTAGAAAGAAAAACCTTATTTTAATTTTTCATTTTCCACCCCTTATCCACGTTTCCCTTCCCTTTTCCACA
TTTTCTCATCCTTTTCCAACATTTTCTTTCCCTCTCACTACCCTTTCTTTTTGCAAAAAACCCTCCACCATCGA
ACAACGCCGTTCTCCATCTCTTACGCCGCCATCACAGTGAGCTTTCGTGCGCACGTTCTCCATCGTTCTCCGGC
CGTTCTCGAAACCCAGTCTCCCCCACCATCGAAGCGTTGCCGTTCTCCGTCGTTCTCCATCATTTTCGGCTAGC
TCTTCGCCGGATACCACTATGAAGAGTGTGCTGGCAATTACAGATGACACTGTTCTGGCTACTAGCATTGTTGT
TAATGTTTTACAAGAGCTTGGGAATGAAAATGTTGGGAATTGTGATTACAAATAAACACTCAAGCCTTTTCTC
TCAATAGGCTGCCACTTGGAGCATCATCCATGGATGCTATCATTTCTATTTGTAGATCTGATTTTCCAAGTGATC
AGTTGTGCGAGGAGATCTTAAGAGTTTTGAAGCCTGATGGGATAATCCTTATTCATAAGACTTCACAGTCTGTT
GCAGTTGAGAAAGATGAGCCATTTTCATGGTTAGAAGATTACTTTTGGCAGGCTTTCTTGAAGCTCAAGTAA
TAGGAAAGAAATTAGTTTCTCCATCTGATGTAGAGAACTTCGTGATAAGAGCCAAAAGGCCTTCTTGGAAAT
TGGCTCCTCTTTTGCTATTAAGAAGCCTGCAAAAAGTCTACCAAAGATTCAGCTTGATGATGATTCTGATTGA
TTGATGAAGATACTTTATTGACTGAGGAGGATTTGAAAAACCTCAG

>trans_s_2897 CT028217|Poplar cDNA sequences

CGAAGCAAATGATTCAACTAAGTTGGCAAGGTATTTGATGCCGCAAGGTTCTACATCTAAAGGATTA AAAAGA
ACGTCAAAATATGAAACGAAGGAAAAATCTACAAACGATGGCAAGCCCTTGGCTGTCAAGTCTGGAAAGCAG
CCAAGTGTATCAGATCATGCAGTTATTACAAGGGATTCTGAAAGCCAGAATGTGAGTACTGAGGGGAAGAAC
GACCAAATGGACGTTCTTCTTTGTGCAGTACTGAAGAAGCGCCAGAGGGCTCACTTTTATTTCTCCAGCACA
CGTCCCAAGAAAGCATCCTCATTTACACGAAGCCGGAACGAGCAAATAAAGGAAGACTTGCTCCTGCAGTA
GGGAAATTGGCAAAAATTGAGGAAGAAAAGGTTTTCAATGGGAATACTACCAAACCAAATTCCAATGTTATTG
AGCCACGTAGATCCAACCGCCGTATTAGCCAACCTCAAGATTATTAGAGGGACTTCAAAGCTCACTGGCAAT
TTCAAAGATTCTTCTATTTACACGATAAAGGCCAACGAAGCCAGAACAGGAATGCATCTAGAGGATGTATA
TTGAAAACCTCTCCTTGAGGTTGGTCTTGGAAATCAAAAAGAGAATCGAAGCATCTACTCCGTTCTGTTCCCTT
TCGGAGTTAACTCTGACTTTGGTGCATTTAAATTGTTACTGTTTACCCTCATTGCCACTGCTGAGTATACTTGAA

GAATGTGGTCAGAAGGCTCAGGTTACTTCCCAAATTTTGTTCATTCAACAATTTGGAACGTAGAGCAATGTT
CTTATGTTATGGACACCTTACAAGTAAAGTTTTGCATAAATTGCTATGACAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2898 BT024790|Arabidopsis thaliana At4g01897 gene, complete cds

GGATTTCAATTCCTCAATCATCTCTATTTCTATTCCAACCTGAAATTTGAGACGAGACCCATCCAAGGTCATTCC
GGTGACTGATTGAATCACAACCTTAGAAATGGCCGACCAGAATGAGGACGAAAATTCTGCCGCTACGGAAGA
GTTTGTACAGAATCAGTACATCCAAGGAATGGGATGAATCACAGCGCCTTGGCCATATCTATGGAGAACAC
CTCGACAAATCTTCCGGTTTCATTCTCAGTAACCTCAATCAGGTCCAGTCCACTTTGCAGAATTTCTTCTTG
AATGTCAAAGATCAATTGTATCTCCTTCAAATTGAAGCCAAAAGCTTGGTGATGGATTGATTATGAACTGT
GGATGGTTACAATAGCTTTCCTCATTTCTATGGTCCGTCACGAAGTTTCAGCCCTATCCCTATGGATGCAGTAA
CAAAAGCAGATAAAATAACTTTTTCTGATGGTTCGATTTTCATGTAGTTTACTCGAATAGGAATAGCTTTAGTTG
GCATTCCAACCTTTGAATTGTATCAGCAAACCAATCGCTGCTCAATGTTATAGGCTGCAGAAGCCAAGCACCTAT
ATTTCTGCAGCCTTTTTCTTTTCCAATTTGTAAAGGACATCGGAGTCTTAAATTCGTGTGAGCTTTTGGGTAGT
TATCTGCTTTATCTGAGTCGTCCTATTACCAATCCAAGAGCCACACTGCATAATATTAGAAACGATGAACCGTT
GTTAATGCCTTCATTTATCAGGCAAAAATGGGAATAATAACGATCACTTTCAATTGTGGAGAATATATTATATA
TCAAATATTGTGTGGAGATATTATTTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2899 NM_113435|Arabidopsis thaliana auxin-responsive family protein (AT3G25290)
mRNA, complete cds

ATACTTTTAATTATATTCCCATTCCAGTCCCCCAAACTCTCCCCAGCCCCAATTCCTCTCCTCTTCCCTCCCTC
CTTCTCAATGGCTTCCTCGAATTGGGGGTTGTTCTTCCCTTACCCTTTTTCTTCTTTTTCTCCCCGCCCAT
TCTCAACCCTGCTCTTCTAGAACATTCTCCAACAACAATCTCTACTCTCATTGCTCCCATCTCCCTTCCCTTTCTGC
TTTCTCCATTGGACTTACGACTCCTCTAATTCCTCTCTCCTTGCCTTCGTTGCTAAATCCACCGGATGGATC
GCTTGGGCTATAAATCCACCTCCACCGGCATGGTTGGCTCTCAGGCTCTCGTTGCCTACCTCGACTCCGGCGT
ACCTCTTGTTCTGACCTACAATGTTGCCTCTTATGGCTCTGTTAAGCCTTCTAAGCTTTCCTTCGAGGTTTGGGA
TACATCGGCCGAGTCTTCCGGTGGAGAGTTGATCATTTTTGCCAAATTGAAGCTTCCAACCGCTGCTACTACGC
TTAATCAGGTCTGGCAAGCTGGGCCGTCCTGGATGGAATACTTTGGCGGTTTCATCCGTTCCAACCCGAGAA
TCTCAACGCTAAAGGAACCCTAGGTTTGTCTGGTGGCGAAGTCAAGAACAACGATAGTGGTGAAGTGGATTCT
GCGAACAATGAGGAAAAATATTCATGGAGTTTTGAACGCGGTGAGTTGGGGGCTTTTGTTCCTGATTGGAGT
AGTGATGGCGAGATACCTTAGGGTTTTCCGTCGGCAGATCCGGCGTGTTTTATCTTCATATTTCTTGCCAGA
TTTCTGCATACGCTATTGAAGTAGCTGGTTGGGGGACTGGAATGAAG

>trans_s_2900 AL161501|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 13

AGCAGCTGTATATTTGGATGAATCCACCACTGGCTCCTGCCTAGCAGGCAACTTCTTGAGTGCTTCAGCTTCCT
CCAGGGCTTTTTGAGCCTCGTCAATCATTCCTTGCTCACCTAGTTCTCGGCCTTTTTCAACTTCTCATTTATCAT
CTCCTGCGTACGAGGATCAGGAGCTACAACAGGTAGAGGAGCCAAAGTGGTGGGTTTGGCAGAGGTTGAG
GCAAAGATGCCCTATCTTTGTTGAAAGCATCTAAAAGAAGCATGGACTGTTTGTGAGCTCGTCTGGTCCTCAAT
TCTTCTACAACCTCCAAAACCCGAATTTAAGATCAGTTTTGCCCTCAAGATCATATTGGTCGGCTCTTTCAAT
TTCTCTTAATTTCTTTTGACAACCCGAGTACCTCGGTATCTGGGTTACTTCAGAGACAGAAATTGCAATAGCT
GCCTTTGCATCTTCCTCTCAAGTCGCTTAGACTCTAGCAATTTTTCTATCACATTCAATAATGAGACGATCTAT
AACATCCTCCAAGTCTCGGTCATAGTTATGAATCCCTTTAGCCTTCTCTTCATATTTCTTCTGAGTTGCAAG
GAATGGATCTTCGGACATGGACCCATATCCATTTTCGTGAGTTGGAAGAGCTCATGGGGACAAAGCCCAACTA
AGAACATGCGGCACACATCGCGGTCGTAGTACTTGCGACTAACTTCTGGACGTCACCATTTTCGATTGCGACCC

ATTAGCTGGTCCAGTTGCCTTCTAAAAGCATCCATGGCTGACTCTCCGGAGGTGTCTCTATCTCTGTCTAGG
AAACCTTCTCACCGAAGGGTGTCTGTCTCTACTCTCTAAAGCGAAGCTAT

>trans_s_2901 NM_113321|Arabidopsis thaliana PMP (PUTATIVE TYPE 1 MEMBRANE PROTEIN)
(PMP) mRNA, complete cds

ACGGTCACAGGCTTCACTGATTCTCTCCAGGATGGAATTCTGCAATTCCTCTTCTTCACTCTCTTAATCATC
CTCCCTCTCGCCAGGTGCGAGAATACTGGCTCGATGCTTTTCGTTGATAGCTCCTCGCATCAATACCTTCGATCT
CATTCGCCCCGATGATGGCTTCGAGGTCAGTTCAATGTCACTATCAGAAGTTGGTGCTGCTGTGTCAGTCTTGCT
TGGTTTTGCACCGCCTTCAACGCTTTCAGCTTCTTCATCATCTAAGCTGAATGGGATTTTGATGCCAAATCCACT
TGATAGGCCTCGTTCAGTTTTATGCTTGAAATTAAGGAGAATATGACCCTGAAATTGTAAGCCTGGAAACA
GGCATGTCCAGCAATGTTCTTACGAGCAAGGTTTCATGTAGGTTCTGAGAGTGCTGACATCCTACTTCTGGTG
AGGATGAAGTTTCTATTGTTCTTTGAATGAACCATTGTCTGATTTTACTGATGAAGATATTAGAGAGTTTGCG
TCCTTCATTGGTGGAGCATATGTTGCCGATGCATCAAAAACCTTTAAATGGAGAGTTTACTGTGACTGATGCTGT
TAAGATCAATCTTCATCTGTCTAAGACAGGGGACAGAGAACTTATTAGCAGTCTTTGTCTCTCTATCACAATA
TTAAGAGGGCTGCGCACATTCATGAGGATTTGTCACAAAACGTGCAAAGTCCATCTGAGCTCATCACTGGCTC
TTTCAATGGCATCAAGGCGTTCCAAGATGAAAGTGATTCTGAATGAGATGCTGTTTCATAGATCGAGACTATTT
ACTGTTGCTCTGTCCAAATATTCCACTTACTCCNAAAAGCGTATGATGGTCAAA

>trans_s_2902 NM_001124150|Arabidopsis thaliana GC5 (golgin candidate 5); protein binding
(GC5) mRNA, complete cds

CGTTACCAAGCAAGTGAAAGACGTTGCGAGGAGTTGATCACTCAAGTCCCAGAGTCTACAAGACCTCTTTTGA
GGCAGATTGAAGCAATGCAGGAAACAACCTGCTAGAAGGGCAGAAGCGTGGGCTGCTGTTGAAAGATCTCTT
AACTCTAGGCTTCAGGAAGCAGAAGCGAAAGCTGCTGCTGCTGAAGAAAGAGAGCGATCTATAATGAACGC
TTGTCCCAAACCTTATCTAGAATTAATGTTCTCGAGGCGCAGGTTTCTTGCCTCAGAGCAGAACAGACTCAATT
AAGCAAAACCCTTGAGAAGGAGAGGCAGAGAGCAGCTGAAATCAGGCAGGAGTATCTTGCAGCAAAAGAGG
AAGCTGACACTCAAGAAGGTCGTGTAAACCAACCTGAGGAAGAAATGAGGGAACCTTAGAAGGAAACACAAG
GAAGAGTTGCAAGAATCTCTGAGGCATAGGGAGCTGCTGCAGCAGGAGATTGAGAAGGAGAAAAATGCCAG
ATCAGATTTGGAGAGGAAAGCTCATCTCCATTCTACTGCTGTGGCCGATCATAGTCCCATAAAAAGGCATAAT
TCAAGTTTTGAGAATGGTGACTTGGCACGTAAGCTCTCAACTTCTAGTAGCCTAGGAAGCATGGAGGAAAGCT
ATTTTCTTCAAGCATCTTTAGGGTCGTCTGAAAGTTTATCTGATAGGAAAATCACTGGGGATGTACCATGAGT
CCATACTATATGAAGAGTATGACTTCTGGTTCTTTGGAGGCTGCTCTTCGTCAGAAGGAAGGGGAAGTGGCAT
CTTATGTCTCCCGATTGAAATCAATTGAATCTATCCGTGACTCTTGTCTGAGGAGCTAGTGAAGTTACCTC

>trans_s_2903 AJ972477|Medicago truncatula ZFP gene for C3HC4 zinc finger containing protein

AACCACGCGGGCGGATTGCCTAACGAAAAGTTCGCCCATTACGCTACCAATTTCCCAATTTCTGCCGTTCTCTT
CCATTTTGGCCTCCCTTATCACTCCCCATAACTGCCGCAGCGGGCGTTTATTAGCGGTGCCGGTCGTCGTCTC
CACCGCATTCAAGGAGGGAAGTATTTTACCGTACAGAAACACGGAATTCCTCATGTCCACATCGGAGCAA
GCCCTTGTTACTTTACTCTCTCGTTTTGCTTTATCGTTTGATGGAGCGGTTTTAGGCGCTGCCCTAGCTTATGCT
ACCGTTCGTACCGTCCTTAACTGACTGCTTCTTCTCGCTCTCAATGAGCTCCGTAAAGCTCCTTATGTTACT
GTTTCTGATCTTCGTCATATCGTTTCCGACGGAAATTCGGAACAATCCGAGTCTGATCGGAAGCTTGTTGTTGT
TCGTGGCACCGTGGAGACTAGGTCGTCTGTGGAAGGTAATTGGAAGAGCTTACAGCCTAATGTATTGATTCT
CAGGAGTCTGGAGATAGAGCGGTGATTATTCAGCGAACTCAAGTGTGCATATTCAACGAATGGAAAGGCTTT
TTCGGATGGACTTCTGACTTGCGTGCAATTTTGAAGAACCTTTAGAAAGCAAGAGTCAACATCATTTAGAA
CGGTTCTTTTGTCTCGTTGATGGTCATTCAACATACTCTGATTTTGTGTTGTTAACATGGAAGGCTCAAGAC

ATCCCTTACCTCTTACAACCTGTGTATCATCAACTGCAGCCCGTTTGTGCTACTCCTTATACCTTCCTTCAAGCAGT
TTTCGGTCACGAGTATCCTGTTGGAGTGCTTGATGAAGAGAAAATACTTCCATT

>trans_s_2904 NM_102692|Arabidopsis thaliana AWP19-like membrane family protein
(AT1G29520) mRNA, complete cds

GCACATTACATTTCTCCCCTAAATCTCAAACCTTTTGATCTTTGAATGATTCTTGAGAAAACCTCCTGATCCTTCTT
TTTTCTCTTCAAAAACCAGCCTTTTGTCTGAAAACCTCACTGCACAAATGGCTAGTACACAAATGAAATCCA
TTGCCACTTTGCTTCTTTGCTCAACTTTTGTATGTATGTAATTATTTTGGGCATTGGTGGCTGGGCCATGAACA
AAGCAATTGATCATGGCTTCATCATTGGTCCTGGATTACGACTACCAGCGCATTTTCGCCCATTTACTTTCCGA
TGGGGAATGCGGCCACTGGTTTCTTTGTGACATTTGCTTTGTTGGCCGGTGTGTTGGAGCTGCTTCAGCAATC
TCAGGATTGAACCATATTCGATCATGGAGTGTGAAAGCTTGGGGGCTGCTTCTTCTGCTGCTGTTTTGCTTG
GACTCTTACTATTCTTGCCATGGGCTTTGCTTGCAAAGAGATTGCATTGGATTTAGAAACGCAAGACTGGTAA
CAATGGAGGCATTCTCATAATTCTGTCAGCTACACAGCTAGTTTACATAATGGCCATCCATGGTGTATTTCCA
CAAGATAAAGAGCTGAATGAATGATGGAATATTTGTTGATTCAATGCCCATTTTCAGTTGTCTTTTGGTGT
GGTTTCCTATATGCAAAAATTGCAACTTGCAAGGAGATTAATTTAGAACAATTTTATTTATTTATTTATTTATTT
ACTTTTATTTTATCTTCTTTTGTGATTGTGTGGTGTGATTTTATTTGTATAAAATATTTGACAATAAATATT
GGTTTGATATTTTATTTGAAAGGTTCAATCACTTTTCTCTCCC

>trans_s_2905 Z21793|L.esculentum DAHP synthase 2 precursor

AACAAGAAGGTAGCCATGCTGGAGGAATTCATTTGGAAATGACTGGACAAAATGTTACAGAATGCATTGGAG
GATCCCGGACCGTAACATTCGACGACTTATCTTCAAGATACCACACACTGCGACCCAAGGCTGAACGCTTCT
CAGTCTCTTGAGCTTGCTTTCATCATCGCAGAGAGGCTAAGGAAGAAGAGGATTGGAAAGCAATCCCCACTT
CCAAGGCTTCTTTAAACAGATGGAGAAATTTCTGATTACCATTTTGTGTTCACTTGTAATGAGTTGGTAGT
TGCCAGAACTCAATATTCAGTAACCACATTCTACCAATATATAAATGGTAGGAGGTAATGTTGAGGATCATA
TTTTAGTTTTGAAGGATTGGAGTATTTTCTGTGGGAATAAGTGAACCTCAACCAAGGAGCTGGAGAGATC
ACAAGTTTTAGAATATGTTTTGACTAGTTTGTCTTTGAGTTTTCACTTATTTATGTACTCTTGAAATTTAATTT
CTCCAATTGTGGAGCAGGAATTTAGATTTTGAAGAGTTTCAATGTAAACAAATCCTAATTAATAATTAATAATGA
AACTTTGATATTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAGGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCGGGCCCCCAATTCC
CCCAAGGGGGGTTAATTTACGCCCCTCTCGGGGGCCCTTTTAAACCCCGGGGGGGGAA

>trans_s_2906 NM_001055683|Oryza sativa Japonica Group Os03g0178000 (Os03g0178000)
mRNA, complete cds

AATCCAATTGCCATTCTCCATCTCTCGCCGCAAGGGTTAAGAGCAGCTTCTCTCCCCAGTTCTTTTACCTAATA
TTCAAGCATGGGTAAGGAAAAGACTCACATCAACATTGTGGTCATTGGCCATGTCGACTCTGGCAAGTCGACC
ACTACTGGCCATTTGATTTACAAGCTTGGAGGTATTGACAAGCGTGTTATTGAGAGGTTTCGAGAAAGAAGCTG
CTGAGATGAACAAGAGATCGTTCAAGTATGCCTGGGTGTTGGATAAGCTTAAGGCTGAACGTGAGCGTGGA
TCACAATTGATATTGCTTTGTGAAATTCGAAACCACCAAGTACTACTGCACTGTGCGTGATGCTCCTGGGCAT
CGTGATTTTCATCAAGAACATGATTACTGGAACCTCTCAGGCTGATTGTGCTGTCCTTATCATTGACTCCACTACC
GGAGGTTTTGAAGCTGGTATTTCTAAGGATGGGCAGACCCGTGAACACGCCCTCCTTGCTTTACCTCGGTG
TCAAGCAAATGATTTGCTGCTGTAACAAGATGGATGCCACCACTCCCAAGTACTCCAAATCTAGGTACGATGA
AATTGTGAAGGAAGTTTCTTCTACCTCAAGAAGGTTGGCTACAACCCAGACAAAATCCCTTCGTTCCCATCT
CTGGCTTTGAGGGTGACAACATGATTGAAAGATCCACCAACCTCGATTGGTACAAGGGACCAACCCTTCTTGA

GGCCCTTGACCTGATCCAAGAGCCCAAGAGACCGTCTGAACAACCCCTTCGTCTCCCACTTCAGGATGTCTACA
AGATTGGAGGTATTGGAACTGTCCAGTGGGTCGTGTTGAAACCCGGTATATAAAACC

>trans_s_2907 AY058116|Arabidopsis thaliana AT3g04780/F7O18_27 mRNA, complete cds

ATTCGGAGTTTGCTTTACAAAGAATTCATTCCCATTTCCCTCTTTTTCCCTTTCTCTTCTCCTTCGATTACCTATGG
CTGCCGCATCTGCCACCGCTATTAATCGGAATCAGGTTGATCTGTCCGACTTCATTAAGTGGTCTGGTGTGCGAG
TGCCTCAACCAGAATTTTAGCCATACTTTTACAAATGCTCTTAATCAGACTTGAGGGATAATGACAGCTTGCTT
TTGGAGAGTGATGCAGATGAGCAGCTCTTGATATACATACCTTTTAACCAAGTCGTTAAATTGCATTCCTTGGT
CATCAAGGGACCTGAAGAGGAAGGTCCTAGGACTGTAAAGCTTTTCTCAAACAAGGAGAATATGGGATTTGG
CAACGTCAATGACTACCTCCCACTGACACAATCGTGTTGTCCCAGATAATCTTACGGGAAAAGCCAGAGGTT
GTGAAGTACGTGAAATTTCAAATGTTCTGAGCTTGACAATTTTATAGAGGATAACCAATCTGGAACCGACA
CTACAAAATTCAAAGATTGCCTTGTATGGAACAACCGTTGAAACAACCGACATGAAGGGTCTGAAGAAGA
TCGAGGATCACTAAATGCAGAAACCATGGTCTGTCTCACACATCTCATATGACTACGAGTAATTGATATCAAA
GTTTCAGTTTTCCGTAACGATAAGAAAGAACTATATAATGGCTTTTTGATGTCATATTCTGGAATTTTGATGAGT
TTGTTATACCTGTTTGATCGGGGGCGATGTGTAGTTCATTCAAATATATCCACACTTATGCACATTGTTAGGT
AAGTTACAAAGGAGGATTAATGCCTGATAATTTACCTAACTATTANGGCTGCTTG

>trans_s_2908 AJ420786|Sinapis alba mRNA for chloroplast casein kinase II alpha subunit (cpck2a
gene)

CTTTGTGGAGGGATAAATATTGTGAAGTTGCTTGATATTGTTTCGAGATCAGCAATCAAAGACGCCAAGTCTTA
TATTTGAGCATGTAAACAATATTGATTTTAAAGTTCTTTATCCAACACTTTCAGACTTTGATATTCGCTACTACAT
ATATGAACTTTTAAAGGCCTTGATTATTGCCACTCACAAGGAATTATGCATCGAGATGTCAAACCTCATAATG
TGATGATTGATCATGAGCAACGTAACTTCGTCTTATAGATTGGGGTCTTGCTGAGTTTTACCATCCTGGGAAA
GAGTATAATGTTTCGTGTTGCTTCGAGATATTTTAAAGGTCCAGAATTCTTGTTGATTTACAAGATTATGACTA
TTCTTTGGACTTGTGGAGTCTTGCTGCATGTTTGCTGGAATGATTTCCGCAAGGAGCCGTTTTTCTATGGAC
ATGATAATTATGACCAGCTGGTCAAATAGCTAAGGTGTTGGGGACAGATGAATTGAACACTTACTTGAGTAA
ATATCGTTTAGAATTAGACCCAGATCTTTCGACTCTTGTTGGGAGGCATAGTCGAAAACCTTGGACCAAGTTCA
TTAATGTTGACAATCAGCATTTGGCAGTCCCTGAGGCTGTTGACTTCGTTGATAAACTGTTGCGCTATGATCAT
CAAGAAAGGCTAACTGCTAAAGAGGCAATGGCCCATCCATACTTTTTCCCAATTAGGAATGCAGAAAGCAGCA
GAACTCGGAACCGATAAATCCATTTCCAGGTGGGAAGCTGACTATGTGTGCCTTCTCTCTCTCTCTCTCTAATC
TTCTCTGTGTCTCTGTCTGTATTTTGGCCATTCTCTCTGATGTTTAAAACTT

>trans_s_2909 NM_001084645|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT3G06330) mRNA, complete cds

AAAACATAATAATTAATTAAGAAAAATCCACAAATTTTCCTACTCATTTCACTCTCTTTCTCCTTCTACTCTTGTC
TCTAAAAAATTTAGGTTCTTCTTTTGCTATAAGCGTTAGTGGGTTCAACAGAAATGGCAACAGTTCAGCCACT
TTCAAATGGGGTTTCTGAGATTACTCAAGAGGAAGACACCGAGATTGTAAATCTGTAAATGAACAAACTTCA
GATACTGGACATAGTAGTAGACGGCCTGATATTTCACTTCAAATACCCCCGAGATCGACAGGCTTTGGTAAAA
GCCGTAGTGGAAGGTTTACTGCAATCTCAAGGTTCCAACAAAGGTGGTTTATCTCCAGGAAGCTTCTTAAG
GGCTTTAAGCTTTAAGAGGAAAGGCATTGCTCCTGAAGGTGAGAAAAGTTCACTCCTAAGTTCAGACCCAAAG
ACAGCTGCTGAAAGTTCGATATCGACAATTGCTTCAGCCTTTTCGTGGAAAAAGTCCACCTCTCTCCAGTAAC
TCCTGCATCAAATCTGTCCCCCTTGATTCCCTCCCCGCCACAAGTACGGTCGTTGAAAAGCCAATCCACAA
TAAAGAAGCAGTGCCTGCAGTTTCGAGATCTCTATCTGTGCCCGTAAGAAATATCGTTATAGTACGATCTACAT
CTTTTGCTACCCCTAGGGCAATTTCTGAGGCCAGTGCCAGTTCTGATCAGGCTGGTCTGTTACCTTAGAAAAAT

GATGATGAAGAAATTCCTGAAGAGGAAGCAGTTTGTAGAATCTGTCTCGATCCATGTGAAGAAGAAAACACT
CTTAAAATGGAATGCAGTTGCAAAGGAGCCCTTANGCTTGTACATAAAGATTGTGC

>trans_s_2910 AY105227|Zea mays PCO136828 mRNA sequence

TATCCATTGGGTAAGTTTTAAGAGATGAGTTCGATCAGATCGTTGATTCCCAGAGAAGAAGCAGTTGGTCGGC
GGCAAGGGTTTTTCTCGTCGTTCTCAGCTTCTCATTCTTCTAATATTTCTCTATGCTGCCGTTATTTCCAAGCT
TCTTCCACCTTCAAACAACGCCTTCTTATCTGCTATTGAGAACGACTGGTATTACTGTCTCCTTGTGCCCTTGAC
ATTACCTATCCTTTACGTTGCCGTTTATTTCCATTGGTTGAGTATGAACTATTCAAGCATGCTTGATCATATCG
TCGTATGAAGATGAAGGTTTCGAGCTAGTTGAGCATCTAAATCTTGGAAGATTCAACCACCTTCCATGTCTG
GTTGAACAACGATGTGATGCGTTTGGAATTTTCAGTACCTAAGGCAATAGAGGATGTACAGGTGAATTACCG
GAGACATATGATGATCATGCCGAGCGAATTCACATCGGCAGAGTGTCTTGGGGTGATTTTTGTAGAGGCTTT
TGTTATGAAATATTCATCCATAGTGGTTGAATGGTATGGATATATCATTAATAAGGTCAGTGTCTTCGAAGCC
AATCTAGGGAAAACGAAAACAGCTTGGCTTATACATATGCACAATTCTTGAGTCTTGAGAATTGCTTGATTCT
ACTTTCAGTAGTTGTTTGATCAAAAGTGGCGTGGGGGAGAATTGTTGCACGAGTCTACCTTTGCCAAATTCTA
AATTTACAATATTAATGTCAATTTTATTGTTTTTAATTTATAAAAAAATCAATTTTATTGTTTTTAATTTATAAAAA
AGTCACCCACGGTATTGCACTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2911 AY075595|Arabidopsis thaliana AT3g24740/K7P8_3 mRNA, complete cds

GGTTGTTGAACATCTCTCACGTTTCTGCGCTATATCTCAGCGACTCCTTCACGCAATCCTCACCGTCGACCCAAC
CCCGGATGAATTCCATCAAATTCTGCTTTTAGTCAAGGACTTGTACAGACCTTGGCGTCTTGAGAAAGTTGCTA
ATAGTTTTAGTCAAGGGTGTATTCCACCAATTACTTCTACAGTTACAGTCTTTGCTTTGAATTTGTAGACCTGT
GATTTTGCTTTAATAAAGCCAGAGTAAGCATTCTGTAGATTTGAATTGGTAGCACAAATAGAGATTGAGAAGC
CTCCTGTAGGAAATATATAAGAGCTGCTTCTCTGTGACTTACCTAGTGTCAAGATGGCTGGTGTGAAACGA
AGAATTCATAATGATTCAGATATCCTTGCTTTGCATAAAGAATTGGATGAAGTCTCCTGCCCTATCTGCATGGA
TCATCCACATAATGCTGTTCTTCTACTTTGCAGCTCTCACCACAAGGGTTGCAAACCTTATATATGTGACACAAG
CCATAGGCATTCAAATTGTTTTGATCAATCCAAAAATTAAGAGAAGAACTAGGAAGAGTCCACGCTTATCAA
GTCCTTTACCTATTAATCCATATAGTTTTAGTAATCCTTCTACAAACAACCTGGGTTTGAGCATTGATTTGAATG
AAGTTGATGATAATCAAAATATAAATGAAAGGAATACTGTTGCATCTGCTGGATTACCTGGTGTAGCTCTAGG
GGATAATGGAAGTGAATTTCTAACAGAACTGTTGACACAAATGAGGCTGGAGATGTGGACACTGCTGGTTC
TGGTCCATAACTGAAAGGGTTGATCAAGAAGGTTTGATGCTGGGAACATCTG

>trans_s_2912 X71397|S.oleracea atpG mRNA for chloroplast CF(o)II ATP synthase subunit 9

AAAGCAAAGCAAGATCAGCCTTATCAAATTGTGTGGTGAAGAATGAAGATTGTATAATGTAGATAGAAAAAG
ATCCCCCATTCCCATTCCCATTCCCTTTCTGAATCCGCCATTGTTATCTCTCTCAGACCTCCATAACCTCCATTT
CTACCCAGCCATGGCGAACGTTATCATGGCCTCTTCCAAACCCCTCTCCCCTCCTCTTTCCATCTCCAACAAAAC
CCCCAAATTCTCCATCCCTAAAACCCTAACCTAATCCACAATTCTCAAAAACCCCAATCCATCTCCCTCTCC
ACCTCCACTCTCAAATCCCTCTCCCTCTTCGCCGCCACATCTCTCTCCTTCGCTCCCCCTTCACTCGCTGAAGAGA
TCGAAAAGGCCGCTCTCTTCGACTTCAACCTCACTCTCCCTATCATGATGGCTCAATTCCTCCTCCTCATGGTCG
GGCTCGACAAAATCTACTTCTCCCACTCGGAAAATTCATGGATGAAAGAGACGCCGCCATTAAAGAGAAGCT
GAGTAGCGTTAAAGACACCTCCGAGGGGGTCAAGCAGCTGGACGAACAAGCTGCCGCTGTCATGAGGGCTG
CTAGAGCGGAGATTTGCGCGGCGCTTAATAAGATGAAGAAGGAACTCAAGCGGAGGTGGAGGAGAAACTG
GCGGAGGGGGAGAAAGAGAATTGATGCGGAGTTGCAGGAAGCATTGGCGAATTTGGAGAATCAGAAAGCGG
AAACCATTAAATCGCTTGATGCTCAAATTGCTGCTCTTAGTGATGAGATCGTCAAGAAGGTTCTTCCCGTTTAA
ATCAATTCCTGGTCTGTTTCTAGGTTTCTAATGGGGCTTTAACATCGATCGATTATT

>trans_s_2913 FJ619057|Jatropha curcas ribosomal protein L15 mRNA, complete cds

AATCGGTGTGTCTCCAGCAGCCTGTGTTCTTTCCGATGGGGGCGTACAAGTACGTGTCAGAGCTATGGAGGA
AGAAGCAGTCCGATGTGATGAGGTTTCTACAGAGGGTGAGATGCTGGGAATATCGCCAACATCCATCAATTG
TCCGCGTCAATCATCCCACTCGCCCGGATAAAGCTCGGCGTCTTGTTACAAAGCCAAGCAGGGTTATGTGGT
TTACAGGGTACGAGTGAGACGTGGTGGTAGGAAGAGGCCTGTTCTAAGGGTATTGTTTATGGGAAGCCAAC
AAACCAGGGTGTTACCCAATTGAAGTTCAGCGTAGCAAGCGATCGGTTGCAGAAGAACGGGCAGGGCGAA
AGTTGGGTGGTTTGAGAGTTCTTAATTCTTACTGGATCAACGAGGATTCTACCTACAAGTACTATGAAGTGATA
TTGGTTGATGTTGCCATAATGCGATTGCAATGACCCGAGAATCAAATGGATCTGCAATCCAGTCCACAAGC
ACAGGGAGCTCAGAGGACTCACGTCAGCTGGCAAGAAGTACAGGGGTCTTCGAGGAAAAGGACATTTGCAC
CACAAAGCCAGGCCTTCTCGCCGGGCAACCTGGAAGAGGAACAACACTCTCTCACTGCGTCGATACCGTTGAT
TTTGGTATTGTTTTCTCTGTTTTGGTATTTTTATTATGAGCATTCTGTTTGTGAGGAATGTAGTGGAAGAAGT
TACTTCAACTAAAAAGTTTTAACTTCATAATTTACATTTGAGATTTGTCAGGATGTTTCTAACTAAGCTAAGT
AACTACTTTTGAGTTCATTGCAATTAATGTATTTCTTTTTATATCTCGTTGCGAGTTTTGTTGCG

>trans_s_2914 NM_117857|Arabidopsis thaliana UCH3 (UBIQUITIN C-TERMINAL HYDROLASE 3);
ubiquitin thiolesterase (UCH3) mRNA, complete cds

AACGGTTGCGTCGTTTCGAAGCAAGGAATTGATTTGATCTTAAAGCCCTAAAACCTATCATTGAAGTAAGTG
TTTGTGTTGGCATATTCCATTTCTGTTATCGAAGTGACGAGAAGAAGCTCAGAAGACGACAATGGCTGCTGC
TATTCACGAAACCTCTTCTTCAGCTAAGCGATGGCTTCCACTTGAAGCTAACCTGATGTTATGAACCAGTTCCT
TTGGGGTCTTGTTCTTCAGAAGATGAAGCAGAGTGCGGTGATGTTTATGGCTTGGATGATGAACCTTTGGAC
ATGGTGCCTAAGCCTGTTCTGGCGGTTTTGTTTCTTTATCCCATAAACGAAAAGAGTGAAGAAGAGAGACGGC
AACAGGAAAAGGAAGCAAAGAAGGATTACAGCAATGAAGTATACTTTATGAAACAAACAGTTGGCAATGCCT
GTGGAACCTATTGGACTGCTTCATGCTATTGGGAACATTACTTCGGAAATTAAGCTTTCGGAGGGTTCATTCTG
GATAGGTTCTTCAAGTCTACCAAAAGCATGGATCCGATCGAGCGTGCAGCATTCTTGAGAAAGACAATGAAA
TGGAAGTTGCACATTCGGTAGCAGCAACTGCTGGAGATACCGCAGCTCCGAAAACGTCGATACTCACTTTAT
CTGCTTCTCATGTGTGGATGGGACACTTTATGAGCTCGATGGGAGAAAGACGGAACCTATATCACATGGTCCA
TCATCACCCAACAGTTTATTACAGGATGCAGCTCGAGTCATAAAAGACATGATCTCGGATAAACCCGACTCGC
TGAACCTCAATGTCATTGCCATCTCAAAGAAGACTGGGGAAAGGAAGCATGTGAAGGCGACC

>trans_s_2915 BT029382|Arabidopsis thaliana At1g76020 mRNA, complete cds

AGACAAACCTCCATCTTCAAACCAAAAATGGAGAAACCAACACCATTTGCTCACACCTTCAATCACTACTCAC
TTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCCTCGCCACTTTCTCCTCACTGCTCATGCTCAGAGTCTCCCCCGGCAAAATTC
GACGGTTTCGTATACGGAAACCACTCACTAGACTTGAACACCATCCTCATCGAGGCGTTTTTCGATCCGGTTTG
CCCCGACAGCAGAGACTCCTGGCCACCTCTCAAGAAAGCCCTCGATCATTACGGCTCTCGCGTTCGTCTCGTCA
TTCACCTCCTCCCTCTACCTTATCACGAAAATGCATATGCAACATCTCGTGCTTTACATATTGTGGATTTGGTGA
ATCCCTCGGATACATTCAAATTGTTGGAAGCATTCTTCGGGGATCAGAAGCAGTTTTACAATGCCGAACTCGT
TATTTGTCAAGGGCTGCTGTGATGGATAACATTGTGAAGTTTGAGTTGAAGTACTAGGGGACTCCTACAAAA
ACACTCTGGTAACTGGTTTCAGTGACAGGGAAACCGATCTTTTGACACGTGTTTCTTTCAAGTTTAGCACCTCG
AGAGGAGTCTATGGAACACCTTTTTTCTTTATAAATGGATTCTAGCTCCTGATAAAGGGTCTCCCTAAATTAT
GCCGAATGGAGAACTTGATCGACCTTTGATCAAGAAAAATAAGAGATCGGGGTCTCAGCATCTGTCACTAT
AAAGTATTTGGTCGACAAAAATCTCTATATGTCTCCATGGCCACCCATCTTAAATTACTATATTTATATCTATAT
GGGTTGCAGATGGAGAGCATCTAATCTTGGAAGGTATGGGGGACTTGGC

>trans_s_2916 AY054158|Arabidopsis thaliana At1g53031 mRNA, complete cds

AAAAGGAAAAGAGAGAAGGAATTAAGAGGGTGGATCACGGTTTTCGTTCGGCGCATCGTCTTCCTCATAAA
CTCGATTTTCAGCTGTACGATTAGGGTTCCTTCTATTACCACCATAGCAGCCATGTTCCCAGTTATCAATCCGTA
ATTGTTTACGTCGCCTCCACCGTTCGATCGAAATGGGATCGTCGTCTCGACTTTCCCGTTATCTGTTTTCTTC
ATTCTGTCGTGCAATCACCAGCGGGACTCTTATGATGTTCTATATGAAGGAGATTTACACGATTGGCCATGG
GATCGAAACCGCCACTAAGTTAATGGGCTCAACACCACACGATCAGCTCCTGATTCTGACTTCCGATTCGTTTT
CCGGATTGCTCCTCTTCGCAATCGGTTTCCTTCTTTTCATGGTTGCGTTTGTCAAGGACAGGGAATTTCAAGGC
TTTTTCGCCAAGGGGTGTACGGTGCTTCATGTCTCAATGGCGATGTGGAGATTCTACTTCGAGCGGAGGGTGG
AGGATCTGGCTTGGGATTGGCTAAGGCAGATTGTTGGTGACATTCTTCTGCTCTATCTTGGGTCTTCTTTCTT
GTTTATTCCTGGAGAGAAAAATATGATTAGTTTCCCCAAGTAAATCGTCGAGTCTTTTGCTTTTGATTCCAAGTT
ACAAATTGCATTGAGATTTTTCTGGGTTTGGGTATCTCTGTTTAAAATTGGGGAAAGAAAGCTACTGATTCAAA
CATTATATCGCAGAAAGGGGACAATCCATCCCACTTTCCCTTGTGTGTATGTCTTTCTAATTTTTCATTTCTTG
TCGATTGAAACACGTTTTTTTCACTTTAAAAACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2917 NM_101107|Arabidopsis thaliana ATCOAB (4-phospho-panto-thenoylcysteine synthetase); catalytic/ phosphopantothenate--cysteine ligase (ATCOAB) mRNA, complete cds

ATTCAGACTTCATACTGTGGTTTTAGATAGTGATTCTCTTTGAAGACCTTTCCAAATGGATGTAAACGGACTGC
AGAAAGCGCAAGAGGCCCTAGATGCTGAAATCAAATCATTTTTTAATTCAGCTCCCCCTTTGAGGAATATTGA
GGATATCGGCAAAGATTTAAGAAAAATTTGTTGAATTTAATTCACCACAAGCTGGAAATCAAAGTGCCAGGAAA
GTTGTTTGTGTGACATCTGGTGGCACCACAGTTCCTTTAGAGCAAAGATGTGTTTCGCTATATAGATAACTTCAG
CTCAGGTCACAGAGGTGCAGCATCCACAGAGTACTTTCTGAAGGCTGGATATTCTGTTATCTTCTTATACCGAA
AGGGAACCCGTCAACCATATTGCAGTTTGCTCCCTGATGATCCATTTCTGGAGTGTCTTGAGTTCACTCAGGAG
TCGGGTATACAAGCGCGCCAGCCTTATTGGAAGCAGTTAAGAATGCAATCAGTGAGCATCATGCTGCAATA
GCAAATGGCACACTTCTGAAACTTCCTTTACAACGATTTTTGAGTATCTTCAGATGTTGCACCTGGTTGCAATA
TCAATGAGGAGTGTGGACCCCATGCACTCTTTTATCTTGCTGCAGCTATCTCTGACTTTTACGTTCCATGGGA
GAGCATGGCAGAGCACAAAGATTCAGTCAGGATCAGGGCCTTTAGACATGCGACTTGTTGAGGTGCCAAAGAT
GCTATCAGGGCTGAGGAGTGAGTGGGCTCCAATGGCGTACTGTATATCCCTCAAGCTAGAGACTGACGTAAA
AATCCTCTTGAGAAGGCAGATGCAGCTCTGAGAAAGTACAAGATGCATATGGTCATTG

>trans_s_2918 AB294695|Hevea brasiliensis HbPMD mRNA for diphosphomevelonate decarboxylase, complete cds, note: HbEST_No.08776

CCCCACAGATCTCGCTTCTCTTCTCTCTGTAGATTCATTTCCAGCGTTTTCTGTTCTTTCCCCCTCTTGAAATT
CTTCCAATTCTTTGCTCTTTGATCGGCAAGCGTTGCTTCATGGCGATTTCTAGAGAGTTGGCGGGTCAAAA
ATGGGTGTTGTTGACCACTGCACAAACGCCCACGAACATTGCGGTGATTAAGTATTGGGGAAAGAGGGACGA
GGACTTAATTTTGCTGTCAATGATAGCATTAGTGTTACGCTTGATCCGAGTCATCTTTGTACCATTACCACCGT
TGCTGTTAGTCCTGACTTTGAGAAGGATCGGATGTGGCTCAATCGCAAGGAGATATCCCTTTCTGGAGCCAGG
TACCAAAATTGTTTGAGGGAAATACGCAGTCGAGCTAATGATGTTGAGGATAAAGAAAAGGGGATTAAGATA
GCAAAAAAAGACTGGGAGAAGTTGCATGTATATATTGATTCATACAATAATTTCCCAACTGCGGCCGGCCTGG
CTTCCTCTGCTGCCGGTCTTGCTTGTCTCGTCTTTGCTTTGGCAAATTTAATGAACGTCAAGGAAGATCACAGC
CAGTTATCTGCTATTGCAAGGCAAGGTTGCGGAAGTGATGCCGTAGTTTATACGGTGGATTTGTGAAGTGGT
GCATGGGAAAAGAAAAGGATGGAAGTGATAGTCTTGCAATCAACTTGCGGATGAGAAGCACTGGGATGAT
CTTGTAATTATAATTGCTGTGGTAAGTTCGCGACAAAAGGAAACAAGTAGTACATCAGGAATGCGGGAAACT
GTAGAAACAAGTTTGCTTTTACAACATAGAGCTAAGGAAATTGTACCAAAAACGTGTGTT

>trans_s_2919 NM_123560|Arabidopsis thaliana binding (AT5G41950) mRNA, complete cds

ACTTTGAAGTTTCAGTTTCGTTGATCTTCAATCTGCTCGTTTTCCGGATCCTTGCTCCATTGCGATTCTCTTCTG
TTCGACACTTCACCATGTGCGCTACTCCCGAGGAACCTAATAATTTGCAGAACGGAATCGAAATCCAACCACAC
ATTTTCATCAGAATCAGATCAAATAGTGAACCCAGATCAGAGCTTGAAGAACCTACAGCAGATTCAATTCCCA
GTTTCGGAATTACAACAAGAACGTGAATCGGAATCAGTTAGTAATGGAGTAGCAGATTTCGGAGCCGGAGTCCC
CAAGGAAACAGTTATCGGAGTCAATTCATTTACATGTAGTGACGGGTGTTACAGATCCGAGTGTGAAGAGC
ATAAAGAACTTCCACCCCATTCACGGCAACACGGAGAACTTGCAACCTGCGTTGCGTAAAGACGAAGGAA
GCAGAACGTTTACAATGAGAGAGTTGTTGAATGGATTGAAAGGTGAAGATGGTAGCGACGGCCTTAATGAAT
CTGAAGGCGAGAGGCCCGAGGGGAACCTCCGGTCACAGCCTTAATCAAGATAGCCCACATCAGCCTTATTCTG
AACAGAGTAGAGCTGCCATGGAGTTGATCAACAGTATTACAGGTGTCGATGAAGAGGGCCGTTCTCGTCAAA
GGATTCTCACATTTGCTGCTAGGAGGTATGCTAGTGCAATTGAGAGAAATGGTCAAGACTATGATGCTTTGTA
CAATTGGGCTTTGGTCTCCAGGAGAGTGAGACAATGTTAGTCCAGATTCCACCTCGCCCTCTAAAGATGCG
TTGCTTGAGGAGGCTTGTA AAAAGTACGATGAGGCCACCCATCTGTGCCAACACTTCATGATGC

>trans_s_2920 NM_001074516|Oryza sativa Japonica Group Os11g0521900 (Os11g0521900)
mRNA, complete cds

CTTGGAAGTATAAGGTGAATTGGGCTCTCTCCACTGGCAGATTTCGTGGTTCATCCTGGGTGGGTGGAAGCGT
CAGCTCTGCTTTACCGGAGGGCAACTGAGCAGGACTTTGCCATAAAACCATAACCCAATCGACCCACCCATCC
ACCAGAAACCTTAACGCACACCTTTTGCCAAATTA AAACTGAAAGATTTAAATACAAGATGATATAACACAGA
GAAGAAATGCAACACAACACGGTGGCTTTATACCCGGGTTTAGTTTTAGGAAAATCCTAAGACTATTAAGAGA
AAGAGAGAGAGAGACATGTTAACTCCCCATTTAACACGCCCTACGACAAGATGGTGTGGAAGCAGCTCAAA
GAGAGATTACACTGAAATTCTGTCCGCATTTTTACCTGGGAGAGAGACTTTGGTAGATTTGAAATAATCGAC
GGGTCAATGAAGAAGGAGGGAGGAGTAGGAGGAGAGTAATAGAGCGAGTGAGATAGAAAGGGAAAATGA
GTAGGGAAAATTGTGAGTTCTCACATACGGCTCCAATTTTACTGGCGGGGGCCTCTTTACATTTTTCTTTGCT
TTAAGCTTTCAATTTTTCTGGTCTGGAATGGCGTGAGAGAACAAATTATAGGTTTTAATCTTTAATTCGTCTTGC
TCGATTCAAATGAGATGGGAAGGAATGCAAATGCAAATGCAAGATAGGACTGATGATTTTGGGGTGGCAGAT
TTGTATGTGTTTTAAGCTGCAAGTCAGGAAGGAGGAAATAAGGAGTTCGCTCAGAAGATTTGAGTACGGAA
TGAGTAGGACAAGGCCAAAAGGATTCCTCCGATCACTTGATAAATGAGATCCACAATACTTGCAA

>trans_s_2921 GU997638|Hevea brasiliensis cultivar Reyan 7-33-97 gamma-glutamylcysteine
synthetase mRNA, complete cds

ATACCACGATCTTTTTCTTTCTTCTTCTTTCATCACAAAATCTCAAATGGTATCATCTAACTGCAGCCCTAG
CTCCCACCATTTGTACGTGCGACGACTCCAACTCCACCGTCGCACGTGCGGTGGCTTTAACTCCGTCCATCGCT
GTAAGTTCGTGACTCCATCCGTGACCCACATCTGCCGACGTGACTCCGCCCTGTCTCGTTCTAACTCCCTCCA
CCGCCGCAAGATTTTATGGCAGGAAAGCTCCCACTAGTTCCTAGAGAACCTCCTACCCTAACTGATTAGGAAA
ATCATTTGACTACAATATTTCCAGAGGTATTCTACACTTGATTTACTCCAACAATATGCTTGTTATGACCTGATT
CTAGGATCTATTTTTCCCTCATTACTGAGGTGAAACTGAAGAGATATTTGAAGATGAGGGGTAGTGATGGAGG
CCCTTGAGGAGATTATGTGCTTTCTCCAGCATTTTAGGAAGTTTTCTGTTCACTGAAGTCATCATTGACTAGT
ATTGAAGCACTTCAGTATGCTGAATATGAAAAACAAGTTTGTTCACTGCTGATGGATTGCAGACCCTAATGAA
TAATCTTTATACATTTCTTTGGTGATGGAGACCATAATGGATATGTTAAAGAAGGATGGAAAAACTCTCGAA
GTCTACGTAGCAATGCAAGTCGTGAGAATTGTACATTTTCAAGGGTGAAAGTGGAGATTTGATAGCAAGTTTT
GAACTTCATTTGTGTA CTGTAGTGTTACATTTCAAGAATTATGTCAATTAAGTTGTACA ACTTTCTTTAGTCCT
AAATTCCTAAATTACATTAGAACTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2922 NM_129322|Arabidopsis thaliana binding / catalytic/ coenzyme binding
(AT2G37660) mRNA, complete cds

ATCAATGCCATAAATGTTCTTTCTGTCAGCCAATTCTAATTCAATCCCATCTTCATCTCTTCAAATCCTTCGCTCTTC
CATTTCCACCACCTCCCACAAGGGTTTCAGAAGGCGTCGATTTCTGCTCTTTCGGTGGTTGCAATGGCGGATT
CTGCTCCCCCACCCTCCTCGTCACCGGAGCTGGTGGTAGAACCGGTCAAATAGTTTACAAGAAATTGAAGGA
GAGATCAGATCAGTATGCTGCAAGAGGTTTGGTTAGAACTGAAGAGAGCAAGCAGGGTATCGGTGGAGCAG
ATGATCTTTTTGTTGGTGATATAAGGGATGCAGATAGCCTTGGTCCTGCAATTCAAGGCATTGATGCTCTCATC
ATTCTTACGAGTGCAGTGCCAAAGATGAAGCCAGGCTTTGATCCTACCAAAGGTGGCAGACCTGAGTTTTACT
TTGAAGATGGAGCATATCCTGAACAGGTTGACTGGATTGGCCAGAAGAATCAGATTGATGCTGCCAAGGCAG
CTGGAGTTAAACAAATAGTTTTGGTTGGCTCTATGGGTGGAACAAATATCAACCATCCCTTGAACAGTTTGGG
TAATGGGAATATATTGGTTCGGAAGGAAGGCTGAGCAGTATTTGGCTGACTCCGGTATTCCATACACCATT
ATAAGGGCTGGAGGTCTGCAGGATAAGGATGGTGGGATCCGAGAACTGCTAGTCGGGAAGGACGATGAACT
TCTTCAAACAGAGACGAGAACGATAGCCAGAGCCGATGTTGCCGAAGTCTGCATTANGCACTACAATTTGA
GGAGGCCAAATTCAGGCATTGATCTAGCCTCAAAGCCTGAGGGAGTAGGTACTCCGAACAAGG

>trans_s_2923 DQ157699|Solanum chacoense cytosolic nucleoside diphosphate kinase mRNA,
complete cds

ACCTATAAAACCCCTTTTACGCCTCCACCCGCTTCAACAGCGGTCTCGGCGTCTACAACTACACACTACACACTA
CACAGTTGCAGACCAGAAGCATAACGTAACGCCGGTCCACAAAAATGGAGCAGAGCTTTATCATGATCAAGC
CTGATGGAGTCCAGAGAGGCCCTGGTTGGAGAGATTATCAGTAGGTTTGAGAAGAAAGGCTTTTCTCTAAGAG
GTTTGAAGCTCATGTCTGTGGATCGCGCTTTTGTGAAAATCATTACTCTGATCTTGCTGGAAAGCCTTTTTTTA
ATGGATTGATTGAGTACATAATCTCTGGTCCCGTCTGCAATGATCTGGGAGGGGAAAAATGTTGTAGCAAC
TGGTAGGAAGATCATCGGAGCTACAAAGCCAGTAGACTCTGATGTGGGAACCATACGAGGTGACTTTGCAAT
TGATGTTGGCAGGAACATCATTATGGAAGTGAAGTGGTGGAGAGTGCAAGGAAGGAAATGCTCTTTGGTT
CCCAGAAGGTCTGTTAACTGGCAGAGTAGCCTTCATTATGGATCTACGAGTGAAAAATAAATCCCTGTGGT
TCATCCATTCTGTGCGGCCCTTTGTTTTGTGTTTTACCTCTTTAAATTGACAACCGACCACTTGGTTGAGAC
ATTTCTATGTTTAATCAATAGCTGGCTATAAGCATGGCGTTATGGTGTACTTTGAGTTTCTGTTTGCTATCAGCT
ACTGTTAATGTTTATGGATCTGAAGTTGGTCTGCCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2924 Novel Gene

AAGTTCCAATGTCTTTCCAGATGTTAACCAAACTTCTCTCCATATCCTTGAAACTTCAATTATTTCTCTCCACCCA
GACAGACCAAATAAGAGCCACCCTGCATTCATGCAAAATGATATTTTTCTATTTGTTTTTTTCATCGCATCGACG
GATAAGTAGAGAGAATTGGTATTGCTAAGATCAAAAAGCCTGTGACCTGATTGAATAACCTTACCCAGAGGC
TTTTTGTAAGATTGCAAGAGATAAAGATATTGTTTCATATCTTCGGCAGTCGATTTGCACAGGACACATCTATTA
GGTTGAAGAAATGATCTTTGTCCGAAGAGAGTCCTTTTCTTTGTGGAATCGCCAAAGCCACTTACAGAGGAGG
GCGGCTTTTGTGGTTTTTACATTAGTAATACTGAAACCTCTTTTGCATTTAGGAGATGTAACAATGGACCAACA
AACCAGTTTGTACGTAGGCAGACTGGAGAGGGATGCTTGGATCAATGTTAGTTTTTCCCCTTTGGATATTTAC
GAGTATTTCCAACCATTGAGCTTCTTTGAATTTTATCCACAATGTTGTTCCAGAAACATGATGAATTTGGTTTC
CCTCCCAAAGGAGTTCCAAGGTAGTCTATAGGAAATTGCTGAATAGGAATGTTCCATAGGCTAGTAACTACAT
TAGATTTATTTTGTGGGATGTTTAAAGGAGTAAAGGATGATTTGGACCTGTTGATTGTAAGACTTAATGCTTC
CTCAAAGAGGTGAATGGCTAATTTTAACTGTTGATAGCTTTTTTCATCATCTTCAATGAAGATGAGGATATCAT
TTCGTAAAGAGCAAATAGTTTAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2925 NM_119729|Arabidopsis thaliana ATSERAT3;2 (Serine acetyltransferase 3;2);
acetyltransferase/ serine O-acetyltransferase (ATSERAT3;2) mRNA, complete cds

AATAGCAATAAACGAGGAGCTCGATCACAACGCCGCATGGGCGCAAAGTTTTCTCTGCCACTCAGCGCCAC
CAGTTCCACTCACCCGTCTCCGTTTTTCTCCTTCTCTATGTTCTGACACTTCCTTCGAATTTGGCCCTTCACTCGC
CCTTCTCCATGGCTTGCCTGAGCGATCATAACTGGCCCGCTCCCTCTCCAATCAACTCACTCGATCGTGTTCC
CGTCGAGGGGAGCAAGAACATGGCGCTCGACACTCCCGCTTTTTTCTCTGCGGATTCTATGAAATTTGAGATT
CGAAAGGGTCTTCCCTGTTTATGCTATGGGATCTTCCAAGCCCTCCGCCCCACTCACTGCCGTCGCTTCTGATTT
GGGTGACCCTATTTGGGATGCCGTGAGAGAGGAGGCTAAGTTGGATGCAGAGAAGGAGCCAATTTTAAGCA
GCTTCTTGATGCCAGTATCTTGTCACACGATTGTTTGGAGCAAGCATTGAGTTTTGTTCTTGCTAATCGGCTTC
AGAATCCCACTCTCTTAGCTACTCAGTTGATGGATATATTTTGTGATGTTATGATGCATGATAGAAGTATTCAA
CATTCCATTGCTAGATCTGCAGGCCTTTAAAAACCGGGATCCTGCTTGTTTGTCTTACAGTTCAGCGCTTCTA
TATCCTAAGGGTTACCATTCCCTTCAGGTACATAGAGTTGCACATACTTTGTGGAACCGAGGACGTATTGTGTT
GGCCTTAGCACTACAAAGTCGAATTAGCGAGGTTTTTGGTGTTGACATCCATCCTGCTGCAAAAACCTGGAGA
TGGAATACTTTTGGATCTGCAACAGGGGTTTGTATTGGTGAAACTGCTGT

>trans_s_2926 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds,
haplotype: S4

AGCCAAGGTTTATTAAATGAAAGTTGTTCTTCAGCTTTTCCTTGTCTCTGATATCATTTTTATTCTAGCACATTG
CATTGTAAATCAAACTGGCTTTGCTTTACCCAAAAAGGATCTAGATTAACCATAAGTAGAGACTTTTGATACA
TATATGTTTTAACTGATCTCGTGTGAATAAGCAAAAGGAAAATATTTACTAATTTCTTTTTGTGTCTGCATG
TAATAATAGCCTTGGGAGGTTGGTACGCAAAACAATCCTGGCTTTTTCCCTCAGTCTCAAGAAGATGCCAGTTT
GAATTCCTTGGTACAAAACAATGGTGTGACTTACGAAAACGATAACGCTTCAGTGCCTTGGTGGCAGAAAAG
AAATATTAATACTACAGAGATTGATAATAATGAGTTGAAAGTAGGCTCTTCCAATGGTCTCTCTGCTGAGAAA
CCCGCTCAACGTGCTTGGGTTCCCTCAACCGCCTCCTGTTGCATTGCCAGAAGCAGCTGAAGCCATCCGAAG
GCCAAAACCAACTATTCAGAAAGAGCAGTTTACTGATGAACAGTTAGCAACACAACCAATGTAACCGATGAG
TTGCAGAAGGCCACAAAAATTTCTGAAGCTGGGGGAGCAGTCGATTATGAGAACTGGGATTGAGCTCTAGT
GAGATACAAGTGGAAGATAATGGTACCGGAGGACAATGAGATGGCACTAAAGTATTATTAACACCACGTATG
ATCTGGAGGTATAGTTTCATGAACTTTTCTTCTAAATTCATAGAAATAGATGTATGAACGCTACCTCATTTCC
TGAAACATGTTTGCGTATTTTATTGAATATCCTGAACAAATACTCTGTCCTATTTG

>trans_s_2927 AF090447|Zea mays 22 kDa alpha zein gene cluster, complete sequence

ATATTGACGAAATCAAATGCATCATACAATACTGCTTTATTGTTCTATGCAAATTATCTGTTTAAAGTTGAAT
AAATCTCGATGTCCGACTTTTTCTTGATATTCAGGTGAGTTCATTGTTTCATATATTATAAAGCCACCTCTGTATC
TATAATAATATTTTAAAGTCTCCAGGAGTGACTAGGTGAAAGATCAAAGGTGAGAACAAAACCTTATATTATC
TAGTCAGCAAGAGAACCATCGCCATCCTTGGAAGAAAATGGGTTCTTTCTCTGTGGAAGATTTTGTGGGAAA
TGGGGTTCTTAAGGATCTGCTTCCCACTTTGCTGGATGAAGGCTGGGATGATGTACCCACCTGAAGGTCATG
AATTCTGAGGATATGGATGCTATAAACATGACACGACAACAAAAGGAAGCAATTGAGATAAGAACTTACCTCC
ACGATAGATCTCTGATGCCGTATGCAGATAGGCTAGAGTCCACCGGGAAATGCTTGCTGAACTTCTAAGCTT
AAGTGTTGAGGATTTAACATCTCAATCCGCATGAAGAGAGGTCATATTGCACGTTCCGTGATAGAAAAAGT
TCGTGTGTGGATCCCTCGACCAATAAGTCTGATGCTCCTATTCCATCAACAAGCATCAAGAGGACTTATCAGTC
TAACAGCTCAAAGAGGATGCTGAGTATGAGAAGCCGAACCTTTCAGGATAAAACAGTTGAGCAAGCACTGAG
TGAATTTAAAATTGAAGACGGGTATGTGTTCAAGGGGATTGTTGCAACAGAACTAGCTGGTCATATAGCATGT
GGTTGTGTGCAACCTTCTCCCTATGTTGATAAAATTGCTCCTTAAAATCTGCATGAAA

>trans_s_2928 BT026111|Arabidopsis thaliana At1g14140 mRNA, complete cds

AATGAAAACAAGGGAAGAACATGGAAGCAACCCACAATCCCTACACCAAATTGTTGCTCACTGGCCTCTCCGC
CATGGTGGCGGAGTCCGCCACCTTCCCCATAGACCTACTAAGACCAGGCTTCAGCTTCACGGCGAGCCTTCC
TCTTCCTCTCGCTCCACAAATGCCTTCAGACTCGCTTCAGCCATTGTCAAGGACCAAGGTCCTTTGCCCTCTAC
AAAGGCTTGTCTCCCGCATTCCTCAGGCACCTCTTCTATACGCCCATACGAATCGTTGGATACGAACACCTCCG
ATCCCTCTTCCTGCGTCCGATGCTGGCTCTGTTTCCTTCATTCCAAGGCTCTTGTGGTGGAATCTCCGGCTC
CATTGCTCAGCATTTCAGGTAGTGGCAAGTCTGCTGATCTTGTTAAGGTGAGGATGCAAGCTGATGGGCGTC
TAATAAGTCAAGGTCTGCAACCTAGATACTCAGGGCCTTTCGATGCCTTGACCAAAAATAGTGCGTGGAGAAGG
GGTTGTTGGACTTTGGAAAGGGGTTGTTCCAAATGTTCAAAGAGCATTTTTGGTTAACATGGGAGAATTAGCC
TGCTATGATCATGCTAAACGTTTTGTTATTCAGAATCAAATAGCTGGAGATAATATTTTTGGCCACACCTGTGC
TTCTGTAATTCGGGTCTGTGTGCAACTGCTTTGAGTTGTCCAGCCGATGTTGTAAAGACAAGAATGATGAATC
AAGCTGCTAGCAAGGAAGGAATTACCAAGTACAACAGCTCTTATGATTGTCGTGTGAAGACTGTTAAAGTTGA
AGGATTGAGAGCTTTGTGGGAGGGGTTTTTCTACTTGGGGCAGGCTTGGTCCT

>trans_s_2929 XM_002312683|Populus trichocarpa histidine phosphotransfer protein, mRNA

AATCCAAATCCACTCTCTTCAAGAACCTGCTTCAACTCTGCTTCTTCTCCACCTCCGCCAATACAAAAATAAA
ACCCACTTCATATTTCTCCATTCTTCACTAAATCCCTGTCTTCAGAACTTCATTTCTAAGATCTCTGTTGTCTCTA
CTTCAACCCCAACTTTTTTTGAATCACACCCTTCTGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTAGCTCGTAATAATGG
AGGTAGGATTGATGCGAAGACAGTGGATTCAGTATATAGAAGGCTTAATCCATGAGGGTACTCTGGATGGTC
AGTATTTGCAGCTTTTGCAACTGCAAGATGAGAGTAATCCAACCTTTGTTTCTGAAGTGGAGACTCTTTCTTT
GAAGATACCGAGGAACCTTCTCAATAAACTGAGAATCGCTATATCACAGCCACCTGTGGACTTCAAAAAGATTG
ATGACCACGTACACCAGCTGAAGGGCAGCAGTTCCAGCATAGGTGCACTCAGAGTGAAAAATGCCTGTATTG
ACTTCCGGAGCGCTGCGAGCAACAGAGTCCCGACTGGTGTTCAAGATGCCTGCAACAAGTAGAGCAAGAAT
TCTATGGTGTGAAGGAGAAGCTCAGTTATCTATATGCACAGCTGGAAAAACGGATTTTGAATGCTGGTGGATC
CATTCCCGCAGACTTGAGTTTCTAAACTGACAGAATCCATGGAAACCAAGATTTACCGTTGCTTCTGTGGAGT
CTTCTTCCTTTTGTTCCTAGGTTCTTAAATTGACTGTTACTTGTGCTTGTACAAATTCAAAACCTTTGCCTTTTTC
ACTCAGAACGTCATTGTTTTCTACAGCTGATTNCGACTTTCAAATCTTC

>trans_s_2930 XM_002884974|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal
domain-containing protein, mRNA

GAGCCTCTAAACCAAAATAGACTCTCCTGTGTTTACCCCTTTTCATCCTCTTCTCCCTCGTTCGACATGTCGTTT
TCCTCCCTCAAGATGAACGATCGTTCGAGTCGTCGTTTTGCAAGTTTCGATTTCTCTAAATTCGTCGACAACAC
ACCAAAAAGGAAAACAACGTTGGGTTTACTTTGATTTTAGGAAATCAATTAATGGCTGGTAAGAAACAGAAA
AACGACGATCTGTATGCCGTTTTGGGGTTGAAGAAGGAATGCTCTGAAGCCGAACTTAAAAATGCGTATAAG
AAATTGGCTCTGAGATGGCATCCGGATCGGTGTTTCGGCTTCGGGAGATTGCAAGTTCGTCGAAGAAGCTAAG
AAGAAATTTCAAACAATCCAGCAAGCCTATTCCGTTTTATCGGACGCGAACAACGACTGTTGTATGACGTTG
GAGTTTACGACAGTGATGATGATGACGACGACGGTATGGGAGACTTCTTGACTGAAATGGTTGCCATGATGG
ATCAAACTACGCTAACGAAAATGGAGAAGAAAGCTTCGAGAAATTGCAGGAAGTGTCCAAGAAATGTTCA
ACGACGACATGGACGGTCTCGGACCAAACCTCCCCGCCAGCTATTTCTCGTCCACGTCGTCATCCTCTTCTCCT
CCTCGTCGTAATCCGGATGTTCCACTCCCAGCAACAAGCGAAACTCGTCGGATATGAACAACCTTCAACTCTTTT
CAAGCTCATCACGTGCACAACCTTTCCATGGGGAGAGGAGGAGGAGGAAGAGAAGGGAGCAGGGGGAGGA
ATTGGGCGAGGAAACGGTAGAAGGAAAAAAACAAAAGGGCAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2931 NM_129555|Arabidopsis thaliana peroxisomal membrane protein (PMP36)
(AT2G39970) mRNA, complete cds

ATCTTCAAGCCGTTAGTCAGAATTTTCCAGATATCAAACGCCATCGAAAATGTCAATATCATTTGGGTAGAAG
TTAGAACAGAGGCCAAAGTCGTACATGGATTTCTTCTCCGATTGAATTTGAGCTAGATCTCTTTCTTTTCACGTC
AATGCTCCGGTTCCGGAGCATTTTCCCGGTGAACTAACACCGTTTTTCTTCTCTTTCTATCTTCCACATACCC
CCTTTTTCTTCTTCTTCTTGTCTCTAATTGGGTTTTAGCTGGAAAGTATGTCGGACGCGTTGATCAATG
GATTGGCCGGAGCTGGAGGAGGGATCATTGCTCAACTCATCACACACCCTCTCAGACTGTGAATACTCGTCA
GCAAACAGAGCGCGATGTGAAGAAGGAGAAGAGAAAATTGGAACATTTCAACAGATGTGTCAGGTTGTGA
AACATGAAGGATGGGACCGGCTCTACGGTGGCTTGGGGCCGCTCTGTTGGGTACGGCTGTATCTCAGGGCG
TTTACTATCATTTCTACCAAATATTCAGGAACAAGTCTGAAGTTGCTTCACTTGAACGAATGAAGGCAGGGATT
GGAGATGGATCTGTTGGGATGCTTCTCACTTCTGGTGGCTGCTATATCTGGGTTTGTGTCTAAATTGTTTTT
AATTTCTTATTATTACATATTCAAAAGAAACACCATCATTTAAACAAAAGAAAAGGGACAAAGGATGTACAA
GAAAGTGAAGGTCCTAACCATATGATTTTTTTTTTAAAAGGATTGGTGCAGAGATCTTAATTTCAAGAATAAAA
ATACAAAAAAAAGTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2932 AF515795|*Pisum sativum* Drm3 mRNA, complete cds

CTCCATACTCACTCCCGCAACTTTCTACGCCGTGTCGGGACTTCAACCTCCGCCCATTTCTTCTCTTCTCTGAT
TCGCAGTTCCTTATGGGCTTACTCGAACAGCTCTGGGACGATACCGTCGCCGGACCGCGGCCGAAAGTGGC
CTCGGCAAGCTTCGGAAACACTCAACGTCTTCTGGTCGACCTAGCTCCGGCAGCAAGGAGCTCGATGGTGGC
AGCGCTAGATCATACGGAGAAGATTCTTCAGAATCGCCGGTGAGGATCACAAGAAGTATTATGATAGTAAGG
CCTCCAGGATATCAGAACGGTTCGCCTCTATTTACCGGCCGGATCCAGTTCTCCGGCGTCTCCCTTTCTGGT
AGAGAATCCTTCCGGTTTCGAAGAAGGTGCGATCTCCGAGTTATACACAAAGACAACCGATGGCGGATCCGGG
AGCCCTTCTTCTCTCACAACATGTGAGATCTAAAGCTTTTCTTGATCTCTTATATTCTCCCTCAGTGAATATT
TCTTCACTTTATGTAATTTTTGTGTACTGTAATATGCGGCTACTGTAGTATCTAAGTATGGCGATATGAAATTCA
GAAAGGTAGTTTGTTAGGAACAAAAAAGTCTTGTTAGGAAGGAGGAAGATGATCTTGAAAATGTGTAGAG
ATGATGAGGGGTATTATAGTCAAATTAGTACTAATATGTAAATATTCATTTTGAACTTTTTAGGTAAGTCACT
GTTGTTGGTTTTGTTAGTGGAATGAGAAAGGGTAGTTCTTTCTTTTTGTATGTGGGCCTCTTCTTTTTGTTT
GTGGATTGTCTTTCATTTCAATTGGACATTGCTTGATAAATGCAAAACAGCACTC

>trans_s_2933 NM_120979|*Arabidopsis thaliana* ATTOC64-V (ARABIDOPSIS THALIANA
TRANSLOCON AT THE OUTER MEMBRANE OF CHLOROPLASTS 64-V); amidase/ binding / carbon-
nitrogen lig> (ATTOC64-V) mRNA, complete cds

TGAATTCAGTTNAAGTAGACCATGCCCAACCCGATGCAGAGTAGATGGATCACGAGCAAACCATCCAACAGT
ATCCAAGCTCGGGGAATTCGACAAAACCTCTATTCATTGGTACAACCTCCATGTGAGGGCCGAAATGCAAGTATA
CCACAAAAGGAAGCTGGAATTATGATGCAACCAACCGTATCAGTGCCAAGAGCAAAGTCAACAAGCTCTCCT
GCAACAGCCACAGCAGACCCACTAGAAGAACCTCCAGGTACAAATGATGACAACCTTTGGATTGGTAGGAGTT
CCATATTGCTTGTTCTCCCCAGTAATCCCAAAACCCAGTTCATCCATAACAGTCTTCCCAACACAAGCAGCCCCA
TTCTTGAGCAGAAGAGTTACCACCTCATCAGTCTTCTCAGCAACATCATGAGTTCTTCCAGTCCGGATTGCC
AAAACCGTCACATAGTCCTTCACGTCAAATACATCCTTGACGGCGAAAGTGAGGCCAGCGAGAGGCTGTCTG
GCGGCAGGGGGCGGAGGCTGAGGGAAAGGTGGAAGCTCAAACGCTGGATGAAAGCACCAAAGTCTCTCC
CTGCAAAACTTTGCCATTTCTTCCCTCCTTCGTGTCTCTGCTAAATTACGACTCCAGCTACGCCGACCCCGAT
CAGGATCCAGAGTTTCGGGTAGAAAGCATTGGCTTCAAAGCTTTAGGGGGTTTGACATGAATCAGAATCAG
AATCGAAATCGGAAGAGATTGACTGGGTTTGAGAATGAATGGTTGGAGGTTAGAAGACGATGAAGAAGTTG
AGGGGTTTAAGGAAGGTTTTTGGAGACGATCATAAATGTCGGAAAGTCTAAAATAAAGGAATTT

>trans_s_2934 EF218619|*Camellia sinensis* ATP sulfurylase (APS2) mRNA, complete cds

AGTTGCAAAATCCCCCTCTGATTCTCATTTTCGGTTCTCTTTTCTCTCCACCTTTTACCTCTCCCATTTCTGTCC
TTTTCCCTAATTAATCTCAAGCTTCGAAGCCTTGGTCTCCATCTCAGATGGCGTCCATGGCGACTCGTTTCACCA
AGACCCCATCCCCATTTTATTCTATTCAGAGAACTTCTTACACCCATTTGGGCGCTCCGATTAAGGTCTCCATTG
CTACCTCCAAGTCGAAGAAGACCCATCTCCGGCTCCGGGTTTCTGCCGGTTTGATCGAACC GGACGGCGGGA
GGCTGGTGGAGCTTCTTGTTGAGGAGCCCCCTGAGGGGTTTGAAGAAGAAGGAAGCCTTATCCTTGCCAAGGA
TCGAGCTTTCTAGCATTGATATTCAATGGGTTCATGTTCTCAGCGAAGGATGGGCCAGTCCTCTTACCGGATTCTC
ATGAGAGAATCCGAGTTCCTCAAACGCTTCATTTTAATCCCTCAGGCTTCCAGATGGGTCTGTGGCCAACAT
GTCAGTGGCCATTGTTCTGGCCATTGACGATGCTCAAAGCACAGCATCGGGGACTCCACCAGTGTGGCTCTC
TTTGATTCTAAGAACAACCCCATCGCTGTTCTTAAGGATATTGAGATCTACAAGCACCTAAAGAAGAAAGGA
TAGCTAGAACCTGGGGCACCACCGCCCCGGGGCTCCCTTATGTTGATCAATCTATAACCAATGCTGGTAATTG
GCTGATCGGAGGTGACTTAGAGGTTATAGAGCCAAATCAGTACCATGATGGCCTTTGACGTTTCCGACAGTCA
CCTGCAGAACTACGGGAGGAATTTACCCGGCGAATGCAGATGCAGTGTTCNGCAT

>trans_s_2935 XM_002323323|Populus trichocarpa aromatic and neutral amino acid transporter,
mRNA

AGTTCTGGAATCGTTAGCCAAAAATGGAGCTACCCACCGATACTATGGAGATTCCTCTCCTCAATTCTTCTTCA
CGAACCACTTCCACTTTTCAAGCTCTTGCAAACATCATCGTCTCCGTCGTCGGCACC GGCGTCTTAGGCTTGCCT
TTTGCTTTCAGAATCGCCGTTATGCTGCCGGATCCTTCGGCGTCCTACTCGTCGCCCTAGCTACCTACTATTGT
ATGCTCCTTCTGGTGAAGTGTAAGGAGAAATTGACGTTACAAGGACGATCCAACGAATCAAAAACATATGGC
GATTTGGGATACATATGCATGGGTAACAAAGGTCGATACCTTACGGAGTTTCTCATTTTCTTTGCTCAATGCGG
AGGCTCGGTGGCATACTGGTGTATTGTTGTTTCAAAACCTTTTATCTGTATTCCAAGGTCATGGCATCCCATTAT
CATCCTATATATTTTTGATAGCAGCAGTTGAAGTTGTGTAGTCATGGATTGGAAGTCTAGCTGCTTTAGCACCC
TTCAGTATCTTTGCCGATATTTGTAATGCAATAGCAATGGGAATAGTGGTGAAGGAAGATATACAAAAAGCCA
TAGCTGGTGGAAATTTCTTTAATGAAAGAACAGCAATTACATCGAATTTGCGAGGTTTGCCATTTGCCGGAGG
GATGGCAGTGTCTGTTTTGAAAGATTTGGCATGACATTAGCTTTGCAGTCCTCTATGAAAGACAAGGCTGCA
TTCCCAAAGTTCTTGGTCAGGCTCTTGTGGAATAACCATTTGTGTACATTTTATTGGATTCTCTGGATACATG
GCTTATGGTGATGATACCAGAGATATTATCACTTTGAATCTCCCCAATACTTG

>trans_s_2936 AY058843|Arabidopsis thaliana AT3g27090/MOJ10_18 mRNA, complete cds

TGCGGATCCTTACCTGAGCCGAAACTGGATTTACCTTTACATTTCTGTCTTCCAGGCAGTCGGATCAATGT
TGGAGCCCCCAAACCTTGATGCCTCAAAAATCCCATGTAAGTATGGGTGGTGTAGTTATAGAGAAACAGAG
GCAAGCCTGGAGTTATTGCACGCACCGAGTCCCGATACCTTGGAGGCAAACCAAAAAGTTGCCTCTTTAAGTC
TTCTTGCATGGTATCATTGTTACAGACAAAGATGTATCCACCAAGAACTTCATTTCTGGGCAGTGTCTCTGTTG
CTGGCAATGTCTTGAATCTTTTATCAATTGCATTGATGGAGTTAGCATTTTACCAACGTTATTGTTGGTACTAC
TGTAATTGGTAAGATCTTTGTTGATATAATCATTGCTACTGAACTTGGCACCAGGCAGATTTCCGGCAACATTC
GTATTGTTTTTCCATAAACTGCATTCATGTTGTAAATTCCATTCCTCAATGAACTTTTGTTAACAGGGTCGGTC
ATTTTTGAATCCAAGCTCAACATGTTAAAGTTGAACTCTCAAATTTGTTATCTTCTGAAAACCAAACTTTTCC
CTTGGCCTTGCATCAAGAGAGCTCTTTGAAAAATCAAGGTTATTCATGCGCTCCCCCTTTGATCTTGTCTGCTCA
GCCAGTTTATAGATGCAGCCATAACCATTTATGATCCTCAGAGACTTTTGTCTGACCTCGCAGCTCATCACCCAA
TTGCCAAAAGCTATATGAACCATCCATATTGCAGCACTTGATTGTGATAACGATGAATGAATGGAGATCCCTTT
ACACTGAGAGTAAGAAGCCCTAGATTTAGGGATCCAGAAATTGTGAGAGA

>trans_s_2937 DQ011883|Arachis hypogaea subtilisin-like protease mRNA, partial cds

GAGAAACGCCGGGGCGAGATTTGATCTGTTCCGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGCGGTAACAGAACATCATCTTC
TACACATTTAGACGTTGTACCTAATTCCACACAACAGACTTACCTTCTCCGACCATTTCCACAAAAAGCGCCGTT
TCTTTCTCCGTCGCCTTCGACTTTTCTCGCCGGCAGCAATTTGCAAAACCCAATTTTGGATATTCAAAACATGTTT
CAATCCAACCCCAACAAATTGATTTCTTCGTCCAATGAACAGAATCTCAAAATGGGTATTTTCGAGGAGTTCGG
TTTAACTACCCACGGTGGCCATGGCCTCTCACCGGCCGGTCAAGGCTTACCCAGAAGCAACGGCAACCACAAC
ATCAACAACAACAACAACACGGCCACCATCATACTCCGGCGAACTGGGTCATGGGGGGTGGCGTTGGAGAA
TCGAATCAACAAGGTATCAATTTAAGATCTAGTAACGGAAATCTGAACGGGAAATTGATCAGGTACACCGCCG
GTGGTGGAATTTCGTGGGATTCTCGGCGATAAAGCAGTGGAGAATTTAAGAGCTAGAAATGAAGGTATG
GTGGAACCATGGATTTGTTCTTCTGATTAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAGAAATCAAAGAAAATTGG
AAGAAAGTGATGAAAAAGAAAAGAGAGAATTACAGTAGAGAGAGAGAAAGAGAAATAGAGAATCATCTTCG
TTAATTAACAATCCGCCATTATCAAACATAATTGAAACACCTTCGTTTTCTTCTAACTATATTTATTATTATCCT
GTAAATAACAGAGATCTATTTTAATTATTTCTCATTAATTATTCATATAATTATTATC

>trans_s_2938 BT006258|Arabidopsis thaliana At1g21820 mRNA, complete cds

AACACCAAACGCACTTCCAACCCCTCATTTTCTCTCCCCTTAGCCTTATATTTTACTCTCAACTATCTTGCCTTCCA
ATCAAGCATGAATGTGTACAGAGATCCGAACTCCTGTTACTTCCATCCCAAAGAAAAAGTGGTGGGCGTCTGT
GCTTTGTGCTTAAACGAGAAGCTTCTTATGTTGGCGCCAAGACGAGGCCGCTACCACCACTCTTCACCCCGAAC
CTGCCGGAAAACCTCCCATCAACCTCTCCAAGATCTTTGCTTTTAGCTCTTTCATCAGTCGTCTCGAATTCCGGCA
TTGGAAGCCGGAAAACCTCCGACGATGAAGCCTCCACCAGTCAAGAAGACTCGTTCATCTCAATCAACTTTGGG
AAAAATGGAGTTGGGTCATGGGAAGAGAACAAGGTCTCAGAGGTTTCCCTGGAAAATTGCATCCTGTCATGG
AATCACCACTTGACCAAAGACTCCAAGGAGACCAAGACTGTGATAGAACACAGCAAGACCCGTGCCTCGCTTA
GGTGGCGGAAGCGGATTGGACACCTCTCCAGCTCATCAGAAGGACAAGGTCCAACAAAGGAACAGTCTGCC
ACGTGGAAGGAGTTAAGACAAGGAAAGGCTGGATAAGAACTCTGACAAGGTCAAGAAACACTGAATAGACA
AAAGAGAGAATATCTATGCGTGGACTGGAAATTCAAATGTGATTTGTAGAAAGATTGAGTCAAATCAACTAC
TCATTTTTTTTTGTTTTTCTGATTTGAGCTCCTGCAGGTTAAAGAATTTACGAGTGTAATGAACTTCTGTAATGT
GCTTGAAATATAATCTCTTCTTTTTCTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2939 XM_002882722|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal
domain-containing protein, mRNA

AGAGGACAGCTTCTCAGCAGGAGATAAAGAAGGCATACTATAAGTTGGCACTTCGCCTGCATCCTGATAAAA
ACCCTGGAGATGAGGAAGCAAAGGAGAAATTTAGCAGTTGCAAAAGGTTATGTCGATTCTTGGGTATGAGG
AGAAGCGTGCAATTTATGATCAAACCTGGCTGTATTGATGATGCCGACCTTGCAAGGGGAAGTTGTTCAAGATCT
TCATGAATTTTTTCAAGACCATGTACAAAAAGGTCACTGAAGCTGATATTGAAGAATTTGAAGCAAATTACAGA
GGCTCTGCGTCAGAGAAGAAAGATTTGATTGATTTGTTCAAGAAATTCAGGGTAATATGAACAGGCTGTTCT
GCTCAATGCTTTGTTTCAAGATCCCAAGCTTGACTCACACCGGTTCAAGGACATTTTAGACGAGGCAATTACTGCT
GGCGAGCTAAAATCAACGAAGTCCTACGACAAATGGGCAAGGAAAATATCAGAAACGAAACCACCGACCAGT
CCTTTGAGGAAGAGGGTGAAATCTAATAAAGAGTCAGAAACAGATCTCTATGCCGTAATATCTCAAAGACGA
AATGAGAGGAAAGAACGATTTGATTCCATGTTCTCGTCTTTAGTATCTAAATATGGGGGAGGCGATGCCTCAG
AACCGACCGAGGAAGAATTTGAAGCTGCCAGAAAGTTAGAGGACCGAAAGTCTCCAAAAATCCAAGA
GGAAGTAATTATCATCTTTGATAAAAAAAATATGCTTGATCAATCGTCAGGGCAATGGTTTTCCATGATGATG
TTTTTGCTTCATGAATGTACATGTCTCGGTTTGCTGTCTTCTTTATTTCCCTGCTTAATCTTCC

>trans_s_2940 XM_002314503|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ATTCTCAACGCGTTCCTTAACCAAACCTCAGACCAACTTTTATCATCTTCCATTGCTTAATTCTTTAGACTTTTAGT
TTCCCTTGTTTCATATGGAAGTTATGGGGGGCTAACTGGCAAGTTCTATGGCATTGACCGGTATTTTGACAAT
GCATAGAGGAAGAGATAACCCTAAAAAGTTGCAGAACATCACTCATACGGCAATATCTAGTAAACAAAAACG
TGAATTTGTTATGGACTTTGAATCAGACTGGACAAGACACGTTAAGTCTTCTGCGTTTGCTGCTCCAGTGATCC
GTTCTGCAACTTCGTTTATGCGTTGGTCTTGCAGAATCCCAATTAGTGAAGGATATCAGGAATTTCTTTAATTG
AAGTCAGTCCAAGATAAGTTATTACACTATTCGAGCGATACTGTTGAAGAAAAACAGTCATCGTTGTACGATA
TTTAATTGGTTACTTTATTTGGATAATGCCTGGATTCAATTTCTGGAAAGAAGAGGGCTCACAGAACCAAAGATGT
GCATCATCAACACTGTTAAACAGAATCAATCTGTCTTTCAAAAAGCGATACTGGATTTCAATCTCAGTATGATT
ATGAGTCTCTCCTTCTGGCTTACCTGATGATGTAGCAAACTGTGTCTTGCCCTTGTTCTCGTTCTAGCCATC
CATCCACGGCTGGTGTAGCAAGAATTGGAGGTCATTCATTAAAGGCAAGGAATTCATAACTGAGAGGAAAT
TAGCTGGTGCAGTTGAGGAGTGGCTGTACTTCTTAACATATGGATACTGTAAGGAAGGAATGCCACTGGGAAG
TGTTTGATTGTGTGGAACATAAGTTTCGAGTGCTTCCACCATGCCTGGAGCAGT

>trans_s_2941 DQ854729|Nicotiana tabacum chloroplast post-illumination chlorophyll
fluorescence increase protein mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CCTCCACTTCAATTGTGGCCTCAAACGACTCTTTGAGCTTCATTTCTCACTGAATCCGAGCTCTGAAGCTGTCAC
TAATGGCGGCAACCAACGCACCCATCTTTGCATCTTCTTTCAAACCTCTCTCCCCATTAGAACCCAACGCAGA
GGAGAATCATGCCCACAATCTACTCGAAGTTTGGTTCTAATTTCTCTGGTTCGTCTCCGAAATGCCTTCCG
AACAATGTCAGATTTAGGACTGTGAGGAAGGTGAACGCTGCTGTGGCTGTTGAAGCATCTCCAACAGAGGAA
ATGACAGAGATCAAACCTCCATCTTGGGCTTTGTTTGAACCTGGAAAGGCCCGTTTACTGGAAAACCTGTGA
ACGGTCTACCCCTACCGCAGGGGAAAAGCTCAAGCTTTTCTATAATCCAGCTGCTACCAACCTGGCTCCAAAC
GAACATTTTGGGATTGCTTTAATGGAGGGCTTAATCAGCCAATAATGTGTGGTGGGGAGCCAAGGGCTATG
CTCAAGAAAGATCGAGGCAAAGCTGATGGACCAAAATACACCATCCAAATATGCATTCCGAAGCACGCTGTA
AAGTTGATCTTCTCATTACCAACGGTACCGATTGGGATGGTCCTTACAGACTGCAGTTTCAAGTTCCCAAGGC
TTGGCAAAACAAACCAATCGACTTTTCAATCAGGGTCTAGCTGAAGAGTTGAGTAAAGAAGGTGCGTGTGA
CAGAGCGATATTTCCAGATACGAGCATTGTTATAACAAGATGTGCAATGATTGGCAATCTTACTGTGGGAGGG
GGTGACCGTTGTGGTCTTAATCTTGTACTANGCTGCACAGATCCTAGCTCGCATTTATT

>trans_s_2942 X97314|M.sativa mRNA for cdc2 kinase homologue, cdc2MsC

AAAGAAGGGAAAGGAAAAACCTCCATCTTTATTCCCACACCCTTTCTTTTTCTTTCTTCTCCATTTTGTCTG
CTCCGGCACCACGCTCCGATCACCTCCTCGCCGCTGCCTTTTCTTTTCTTCTTTTCTTTAACTATCCCTGTTTC
GACCTCACGCCGCAACTCTGTGGGTGAATCTTTGGTGCCAAGGCTGCCATAGGGCTCGCCTCTCCTCGCTCAT
CTGTCTTCTTCTCCTCTTCTGCGTACGGAGCTTCTCAATACCATCTTTATTCTCCAGCTTTTGGCTACTCCCTTCA
CTCCTAACTTCGATTCCCAATTCAGTCAAGTTTACATGGCTAGAGAATTGAAAACAGGGGAAATTGTTGCCCTG
AAGAAAATAAGAATGGATAATGAGAGGGAGGGGTTCCCTATTACTGCAATACGAGAAATCAAAATTTTAAAG
AAGCTTCATCATGAAAATGTAATCAAGTTGAAAGAGATCGTGACATCTCCAGGTCCTGAGAAGGATGAACAA
GGGAAGCCAGATGGTAACAAGTACAAAGGTGGAATCTACATGGTTTTTGGTACATGGACCATGATTTGACT
GGCCTGGCTGATCGTCCAGGGATGAGATTTTCAGTTCCTCAAATCAAGTGTTACATGAGGCAGCTTCTCACAG
GGCTTCACTATTGTCATGTAAATCAAGTACTCCATAGAGACATAAAAGGGTCAAATCTGCTTATTGACAACGA
AGGAAATCTGAAGCTTGAGATTTTGGGCTTGCCAGATCATTTTCTAATGATCACAATGCAAATCTAACAAATC
GTGTCATTACCTTATGGTACAGGCCTCCTGAACTGCTGCTCTTTGATTGTG

>trans_s_2943 NM_180653|Arabidopsis thaliana ATP binding (AT1G79920) mRNA, complete cds

TCAGGAGAACAGTCCGTACAAATGGAGACAGATTCCAAGGTTGAAGCACCGAAGAAAAAGGTAAAGAAAAC
CAACATACCGGTAGTGGAATTGATTTATGGTGGATTGGCAGCTGCTGATGTCCAAAAGCGGTGGAAAAGGA
GTTTGAAATGGCTTTACAGGATCGGGTGATGGAGGAGACCAAAGAGAAGAAAAATGCTGTTGAGGCATATG
TGTATGAAATGAGAAACAAGTTGCACGATAAATACCAGGATTTCTGCTACTGAATCACAGAGAGAAGAGCTTTC
TGGCAAACCTCAGGAGGTTGAAGATTGGTTGTATGAGGATGGGGAGGATGAAACAAAAGGAGTGACATTG
CAAACTCGAGGAATTGAAGAAACAAGGTGACCCGATAGAGGAGCGTTACAAAGAGCATATGGAGAGAGGA
AGTGTGATCGATCAACTTGTCTACTGCATCAACAGTTACAGGGAAGCAGCAATGTCAGCTGATGCTAAATTTG
ACCACATCGACATCTCGGAGAAACAGAAGGTCTTGAATGAGTGTGTGGAAGCTGAGGCCTGGTTAAGAGAG
AAAAAGCAGCACCAAGACTCACTACCCAAACATGCTACACCAGCCCTCTATTCTGCTGATGTGAGAAAGAAAG
CTGAAGCACTCGACAGGTTTTGTAGACCAATAATGACGAAACCGAAGCCAGCTGCTCCCGAGACACCTCCCT
GGCTCCTCAGGGCAGTGAGCAGCAACAGGGAGATGCCAGTGCTGCTTCTAATGCTAGTGCGAGCCCAACAG
GAAAGCAGGTGACGAAACCGAGGTATCCTCAGCCCCTACAGAGCCAATGGAGACGGAGAAACCCGAACATA
CTA

>trans_s_2944 Z11512|*L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

AACGAATCATACAAAAATCTGAGTTTGATCCTGGCTCAGAAGGAACGCTAGCTATATGCTTAACACATGCAA
GTCGAACGTTGTTTTCGGGGAGCTAGGCAGAAGGAAAAGAGGCTCAACGCTTTGTCTCGCTTTCAAGGTGG
GAAGAGTTGAGAACAAAGTGCGAACGGGTGCGTAACGCGTGGAATCTGCCGAACAGTTCGGGCCAAATC
CTGAAGAAAGCTAAAAAGCGCTGTTTGATGAGCCTGCGTAGTATTAGGTCGTTGGTCAGGTAAAGGCTGACC
AAGCCAATGATGCTTAGCTGGTCTTTTCGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGACACGGCCCGACTCCCAC
GGGGGGCAGCAGTGGGGAATCTTGACAATGGGCGAAAGCCCGATCCAGCAATATCGCGTGAGTGAAGAA
GGGCAATGCCGCTTGTAAGCTCTTTCGTCGAGTCCGCGATCAAGACACGACCCACAAAGAAGCCCTTCCG
GCATTCTCCTCAACTTCTCCGACTGAGGTTGAAAATACCGGACAGCTCATCGGCGGAATACTTGTGATGATT
GGTCACTTGACAGCAGAGTAACATTGGACAGCAGTATAAAACCTGGTGATGTCAATTACTTCGGTGCTCTTT
GTATGATGGCCTCCAACTTTCCTACGAGAATGAAGCTCACGTTGCACAAATTGTGAAGGATGTCTGGAAGAT
GGAGTTCTTGGGATTTTTCAATTTTTGGAATGACTATCAAGAAAAATGCTCAACGCAAGCATTGATGCGTG
ACAAAAAAGTTGATCACGATACCATCGTTGTGTCCTTCAGAAGCACAGAGCCATTTGATGCCGATGA

>trans_s_2945 NM_001070153|*Oryza sativa Japonica Group* Os09g0507800 (Os09g0507800)
mRNA, complete cds

TTTTACTTAAGACATCCTTTGAGCAGCTTCTTTGGCCAGTAATTTCTCCTTGCCTTGGTTTTGCCTGAGACTTG
GATCCCATGATTCCACCGCCCCACTTCTTCTGTATTGTCGTAATTGTCGTTGAAATTAGCCTTAATGGCTTCC
AAGATCCTGCTAAACTCCATCTTATCTTCATTCTTCACTGTTGTTAAACACAAAAGTATGCAGTCTTTTTGTGG
ACAACCGCTCCCAAACGTGCTTTTCCCTTACAATGCAATATGGAATTTCCATCTTCTGCAAAGAGCTGGGAG
CCATACAACCAACTCAATTGGATCCACATCGTGTGCAATCACAACCAGTTGTGCCTTGTCTGCTCAATGAGGT
AGGTAACATGGTTGAGACCATATTTAACAACAATAGGCTTTTTGGCATCGTGTGATTTTCTTCAGCCTCTTCTCCT
GAGCTCTTTTCAGAAGACGCTCCCTTTCTGTGTTTTATCCTCTGGCCTATACTTCAAAGCATCTTGAACAAGT
TTGTTGCAAGATTCTTGTCAAGGGTCTTGGTGAAGTATTCAAAGCTGGTGGAACCTTGAAGCCTCTGCTTCAG
AATCCTCTTCTTCTTTGAATTTGAACAACCTTGGGCCATTTGACAAATCGTGTGAGATCCCTCTTAGGCGGCA
AAGCCCCACCGATTCCAACTGCTTTGGACGCTTCTCAAATAGCGGATTACACACCTTCTCCGGCTTCTTCTCG
CCGAAACTTTTCCAACGGCTTCTTCGGTGCCATTTTTGGCGCTGCTGCAACGGGCGATGTAAACTGGCAA
GAAGAAGGAACGAGAAGGGGAGTGTTAAGAAGGCGGGGGAAGAGCT

>trans_s_2946 BT024752|*Arabidopsis thaliana* At1g76185 mRNA, complete cds

TGGGGGGTGGAGGAGTAGTGAGAGAAGGTCCACGCAGCGCATTCCAACAAACAAACCCCCCTCAACCTGAA
CCACAGCGAATTGAACGCCTCATGCTCTCTCAATTCCATTTACAATTCCTTGTTTCGATTCTTTGTCGCTGTT
TTCGTTCTCCATTCTTACCTTCCCTCTTCCCTTGAGGCAAAGAAAAGAAGGTCTCGGGGTTTCAGCTTCAG
CCATGATTACTCGATCGAATCTGGTTGAGCAGTTGAGAGAATACCAGATTCGATCCAAACACGAGTGGGCTTC
CGTCTCCTTCTTCTCCTCTACCTCTAATATTACATCTCCAGGGTGGATGTAGTGATTTTTGTAATATGGGAAC
TATAATACTATCGTTCTTGGTGTTCTCGGCAGTTTCTTTATATTTTCGGCATATGCAGTTGGCTTTTATTTAGTA
TGCATTACGATGTTGTTGCTTCTATGCATGAAAGTTACAAAGCAAGTGAGATTGGCTAGGAAGAAGAAAAGA
AGGATGCTTCTTCCATTGTCCATGTGAAAATCTCATAGTAGAAGGAGAGTTATACTAAACCTTTTTTCTTTTT
TTTTTTAATGTTCTAAATTCCCTGAATTATATTCACAAAAAATTAGATTTTGCTCTTTCTTTCCCACTACTCT
TTATTATATCTGATCTGTAATCACCAGGAAAGCAGGTTTATCCCTCCCAAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAGAT
GAGATGAATGTGATTAGTTTAGAAATTCATTTGTGAATGCTCTTTATCTGTGAGTTTGATCATCTTCCTGATT
TACTGATTGTTTCATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2947 DQ056433|Lycopersicon esculentum ACI13 (ACI13) mRNA, complete cds

GGAAATGAGTTTTCTTCCCCATCGAACAACCCTCAGTTCCGAGATCTCGCTATCCCCATTTCTTGCTGTTA
TCAGTCGCTTTGAGAACTGGGTTTTTCGTTTATAGTCAAATCCAGAATCCCTTTAAACCATTCTCCATTCTCCA
TTCTGATTCTGGTTTCACAAGAATTTGCTTTCAGAATCAATGGGTTCCGATCCCTCTCTTTGCTGAGATCGG
CCCTGATGGACTTGCCAGGGAAGCTCCTGTAATTGCTTACACTGAGAAGATAATCGAAGAAGGGAGTCTTCAA
TTGAGAAAATGTATTGATGAAAATTTATCTAAAATTCGGGATGTTGAACGGGAATTGGCAAACCTTACAATGG
AGATGAACTCACATCTGGGCCTAAAAAGCAGCTCTTGAACCTTTGCGGAAGAAAATAGAAATGTCAACTGA
GAGAGTACGTGCAGCTAAGTTGAAGGAAGAACAAGCAAAGAAGGTTTGGGAAGCAGCATCAAAGGTAGTGC
AAGACGAGGAAGCAACTAAGCAAAAATTGTGTGAAGACTTGAATCATCTGGTTCAAGAAAGCAGCAACTTTC
AGTTGACAAGACTTGAAGAACTAAAAAGGCGCATGGAAGCTTTGAATTCAAGTCGAGTATCGACCTCTGTTTC
TCATGATGTCAAGGCAATGGGAGGTGCTCAGAATAGCAGAGTGTGAGATTCTTCTGCAGTTGCTACGACAACA
GAACTGGTGCAAAAACAAATGAAAATGTCCCTAATCAAACAACCAAGTGATGCAGCTCCAGTGATAAATGGG
CAAAATCAAAAGCCCCCTTCTGAGACAGAAGGAAGAGGAAAAAAGAAAAACCAGTTTCA

>trans_s_2948 BT011863|Arabidopsis thaliana At1g13360 mRNA sequence

GTCTCACGTTCTTTATCGCGTCTATCCGTCGAAACTTAAACAAACTCATTACAAAATAAAAGATAAAGAAAAA
AAAAGAAAGAAACCCTAATTCTTTTCTCTCTCTCTCTCTCTTTTATTTTATTTTATTTTATTTTATTTTATTTT
AGAAGCGGGATCGGGACGACTCGGCCGAGTCAGAAACCGGTTGCCCCGAGGTGAAGCGGCTCAGAGACGAC
CTTCTAGGTTTCTTCGACGAATCCGATCCTGAACCAGCCACTCAGGATCTCGATTCTTGATGAGAAGCTTCGA
GGAAGAAATCGCTACCGCATCATCTTCTCCGGTGCCGGTGTTGATTGACGGCGGATTCCGGTGAGTCTCAA
CCGGAGTTAGGTTACCTCTTGAAGCCTCCGACGATGAGCTCGGTCTGCCGCCTTCCAATAGCCAAGAGGAAT
TTGCTCGAATATCGACTGATTCTGCTGACATCGGTGAGATGTGGAGGTTTGAAGATCAGATCCCGAACTACGA
CGTTTTCGAACTCGAAGGCGGAGATGTATACAGTGGCAGTGATACGGCGGAGTATGTGGCGTTTCGATGGGCT
GTTGGAGTATTCGAATCTGTGCTTTGATTCTGTCGGATAACTCCGATTTTCTTTGCGGCAAGAATCTCTGCCGG
CGCAGTAGGTAGAAACGTCGATCTGTAAATGTTTTGGTTTAGATTTGTTGGTGCGTAGGACTAGATTGATAC
AGATGATGCTGATGAATATAGGAATTGGTTGTTTTTCTTTCTTTCAAGTTTGAATACACATGATTTTCATATAG
TGGAATTCTAATCTTTCTTTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2949 NM_179991|Arabidopsis thaliana integral membrane Yip1 family protein
(AT2G39805) mRNA, complete cds

ATCAAACATTAGGGCTCAAACCCATAGAATTCCTTCTCACTCAATCGCTCATCCATTCTAACTTCGATGAATTT
CTGATCTCAGTTAGCAATTTCACTTTTCTCTTCTCTTTCGGTGTTCCCCCTTTTCTCCTTTTGGCGTTTCATTGTT
TCCTCCATGGATGAAACATACACAAATCTTCTACTAGCCATTTGCTTGGCTCAGTCCCTGCTGTAATCAATGAA
GAGATTGAGAAAAGCGGTACAGAGCATGAAACACCAGAAGCAAGTATGCAGACATTTCCCCCAACTAATGGA
GGGGACAGAGGGAGAGGTTATCGAACTCTTGAAACCCCAAGTGATTCTCAGCAGCAACCATCAAATGACTGG
AAGGGGGTGTTTAGTGTATCGTCTTACAGTCAATATTTCAATGTGGATACAGACATCGTCATGAATAGATTGA
TTAGTTCCTTGTATCCCGTTGGTGGAGATTTTTCTAGCAAGATCGATGCAAACCCTGATTTATATGGGCTTGTG
TGGATCACCCTACGTTGGTATTTGTACTTGCGGCACTTGGAAGTGTGCAACCTTCTCATGCAAAAGCGAA
GTGCTCAAGGTGCTGCATGGAGTTTTGATGTCAGCTATATGAATGTGGCTGCTGGGTCTGTTTATGGTTATGC
GATCGTGGTGCCCATGGCATTCTTCACTTCAATACTTGGGGTCAAATCTAGCCTCATAAGGTTTTGGT
GCTTGTGGGGATACTCTCTTTTCATTTTATTTTGGCATCTTTCTGTTGCTCATTCCGGTTGAAATCTGCGGTG
GGTCATTATACTCCTTCTGGTGTGCCTCACCAAGTTTTGTTTCCTTGA

>trans_s_2950 AY058190|Arabidopsis thaliana At1g68600/F24J5_14 mRNA, complete cds

TATGTATATTACCATTTGGGCAGGGGAGGATCTACACAAATTGGTTGTGAAAAATTTCAAAAATGTTGCTTCT
TCTTTGGAAGGCGTTGTAATGAATACCTCCAGTGTGTGGAATATGAGAGAGTCTCCTCGAAAATTCTTACATA
TCAGGCTTCCGACGACCCTGTATATAATGCTTATAGATCGGCTGTGCAGTCTCGAGCCAGGAGGACAGCTTG
TTGGACTTTGCCTCCTGGGAACCACCACATGGTCCTTACAAGACATTCAATTATCCATGGTATAACTATGTCAA
AGTGAGTGGTGTCTTAGGCATTGTGCATTTATGGTTATGGCCATGCATGGGTGTATCTTTCAGAAATCCAG
GCTCCACCAGAGAAGAGAAAAGGTTTTTGCAAAGGAGCTTCTGAGGGTTGGCACTGAGGGAGCTAAATCTTA
CGTGCGCTTGGAAGTAAAGTAGAAAGGATGGAGAAATTGAGCTCAAATGACATGCTTTTTGATGTTTCATGAT
GCTGCAGAACTTTACAAATGAAGATCGACGAGAAATCTGATATGCTGGTCCATTGAGCTAGTTGGAGAACTG
GAAAACAGCACAGGGACAATGAAGATCCTCAACATTTTGTGGATGCAAAAGATGATCATAACAAACAGTTGG
TAATTGAATCCCTGAACGAGACTTGATGCTCAACACTCGAGCATTGGCATCCACCCTCCCATGACAGAATGG
GTATCCACAGATAGTGTCTTTAACAAAAACCTGGTTTCATGGCCACTTCTTCGTTTTTATGATGGACACCGTGCCC
TATGAACGTGAGGCCAAAGTATATGAAAGTGCAAGCTCCTTGTCTTTGGNCACATTTGC

>trans_s_2951 NM_001050728|Oryza sativa Japonica Group Os01g0739000 (Os01g0739000)
mRNA, complete cds

AGCGCTTTGAAGACTGAAGAGATTGTCGTTGGATCATCATGTATAGAGCTGCAGCTTCACGAATTACGTCTC
TTAAGGGGCGTGCAAACAACGGGCTATATAGATTTGCAAGCACTAGTGCTGTTGCCTCAAAGCAAAAATCTTC
TGGGGGTCTCTTTGGCTGTTTTCTTGAGACCGTTCTACATTACCCCCACTAGACTTTCCCTGTGCGGATGTGA
CTCTCCGCCTCCATTACCAGATTATGTTGAACCTGGTAAGACCAAGATCACAAGTCTGCCAAATGGTGTAAGA
GTAGCATCAGAAACATCACCGGATCCTGCTGCATCAATAGGTCTATATGTTGATTGTGGTTCAAGTTATGAGA
CTCCAGAACTTTTGGTTCTACCCATCTGCTAGAACGCATGGCCTTTCACACCACAAGAAATCGCAGTCACCTA
CGTGTTGTGCGCGAGGTAGAGGCAATTGGTGGCAATGTGCTTGCCTCGGCTGCAAGAGAGCAGATGGGCTAC
ACCTTCAGTGCTTTGAAGTCATATGTCCCTGAAATGGTGGAGCTGCTTATTGACTGTGTCAGGAATCCTGTTTT
TCTTGACTGGGAGGTCAATGAACAGCTTTCAAGGGTAAAAGAAGAGATTACTGAAGCTTCCAACAATCCCCAT
GGGTTACTTCTGGAAGCCATCCATGCTGCTGGTTACTCTGGTGCATTGGCAAATCTCTCGTAGCCCCCTGAGTC
TGCTATACATAGTTTGAAGTGTACAATTTTGGAGAATTTGTTTCTGAAAATTATACTGCATCGCGCATAGTAC
TTGCAGCATCTGGTGTGACATGAGGAACTCTTATCCATTGCTGACCCACTTCTAT

>trans_s_2952 NM_001061676|Oryza sativa Japonica Group Os05g0304100 (Os05g0304100)
mRNA, partial cds

AAAAGAAGAAACCCTAAATCCTATTCCCTCCTATCTTCCTTTGCCGCCGCCACACACCTATCTTTGTCATTTTGTT
TTCACCTTCACCTTCTTCTCCATATACCACCTCTTCTCTACACCCTACGCCGGAATAATCCCTCCGTCGCATTCCC
AGGCCGCCACCCTCATCGGCAAACGCCCCGTTTCTTCCTTTTCTCCCTCTTACCCTCTCTGCTGCAGCCTCGCCGG
CACCCACTACTGCGCAAACCTCCTCTACTCGTCTCCAAGGTCATGGCAGATTCAAACCTCTCCTGGTTCGTTCCAA
CCTCCTCCTGTTACCCCATTTCCAATTCTTATTGATGGGGCAGATCGTGATCGAGCACTTGCTTCTTCTATGGTC
TGTTCCTCGTCGAGAAGTGCTTGAGCGCCGGTCCCGAAGAGCGAAACAGCTTTGTGCAATCTTCAAGGAACTGT
ACTGGTTTTTTGTTGGAGGAACTCAAGCGCAAATACAGGGAGTATTATTGGACATATGGCAAGAGTCCGTTTAA
GGAGGACGAGAAGGAGGCTGAAGGCATTGGCGATTATCCAGAGGGTATTGGGGAGAATGGAAAGCTAGGA
TTGGGTTCTTCGACTGGGAGCGATGAGATTAGAAGGTGTGATGTCACAGGTTGCAAGGCGAAGGCGATGGC
ATTGACAAAATACTGTCATGCTCATATCCTCTCGGATAAAAAGCAGAGGCTCTACAAGGGTTGCACCTTTGTG
ATCAAGAGTATGCAGTCAGGGCCGCTTCTATGTTTGAAGCCTGTTTTAAGATCAAACGTTCCTGCTATTGTTT
AGGTCATCTACAAAAGGCGAAAAGGGTTTAGCTCGAGATTAAAGAAAAGCAG

>trans_s_2953 Novel Gene

ATCATAGGTCATATTCTCGATCCAGCTCACCGTATAGGAGGTGGAGCCGCGACAGGTCATACTCACCTTATGA
TTACTATCCCCCTGATCCTTACTACAGAAGGCACAGGTACAGGTACAGTTTCTCGGAGCCTTTCGCCAAAGTCAA
GGAACGGCAGGCATTACTCCGAAGTTACTCTCCTGAGCCCAGGAGAAGAACGTTGAGAACTACTCTCATA
GCCCCCTCCCGGAATTGAGGAGAAGTTATTCACGTAGTATTTCCCCTGAACGAAGCAGGAGATCAGGAAGTA
GTGTCTATTATCCAGTATTTCTCCTGAACGAGGCAGAAGCTTAAGGAGTCGCTCTTGACGCCATACCCCAAGA
CGACACGAGAGCACACGTAAGAGAGGGTATTCTAGTAGGAGTCGATCAAGAAGTCAAAGTGTAACCTCAAGA
TCTGTAGTCCGGCTTGATTTACTGAACTGCTTCCCCTCTGCTACATTCTCATGGTGATGTACGTTTGGAGCTTT
TAATGCGAATCAATCAGCTGCAGATGTAAACAATATTCCCCTTGCTTAGATGCCTTCACGTTTGAGACGAAA
TGGTGGGTTGTGGAATAATCTATTTCTGGTTTCATGGCTTACGAGGGGAAACGAAGAAATGTCAACAGGGAA
TGTTATACGCTTTCAACTGATGTTTGCTTTAATTCTGTTGGGTTACTTTGTTAATGAGGGGTGTGAATGTTTTG
GTTCAATTTGTCATTTTGATTTCCAACCTCGATTGGGTTGGATGTTGTGCCTTATCTTATATGAACATGAAAA
GATAACGTACATTTGTGGTTTGCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2954 NM_001067879 | *Oryza sativa* Japonica Group Os08g0242900 (Os08g0242900)
mRNA, complete cds

CAAGTCTTAATGGAGAAAAAGAAGGAATCTAGATCAGGAATGGAGATAATGAATTTGCTACAGAAAGAAGG
GCGACAACGGGGAACTTGGAATGGCAAGAAGACTGATAACGATTTCTATAAAAAGATAGTGGATGCTTATGA
AGTAAAAAATCAAGAATCGATGTCAGAGAATGCTGATTTAAAGACATTGTTACGGTCAATGCAGGTTGACATG
CGGGATTTCTTAAATGCTCCTAATGGAACCTAAGCAGCCCCTCACAATTAATGAAAGAGTTGAAAGTGAAG
GTGCACAGTCTCCATTTGGTGGGAGGACGGATGTTTTTGACCTTCCCTTTCATATGGCAAGAGATAAGATTGA
AGAGAGCCCTCGGAATAAGATGGCTTCTATAAAGGAGCGGATGGGTCAGCTGCAAGATGCTCAGAAAGAAT
CTGAAGTTACTTCTGAAGCTACGGAGAGGGAACTTGAGTTAGAAGCACAACTTGTAAGGCAAGGAGCATAA
TTCAGGAGCAGGCATCGATCATGTCTAAACATCTTGCCAAGTCGGAGAGGCCAAGAAATCTTAATGGCCCTTT
TGATTCTGGCAGAGAATCCATCATTTCTCTCCACCGAGGGAGTAGGGAACAAACAAGCTCAGCGGCTATAG
AGTATTATAGAGTTGAGTTGCCGCAAGGACAAGCAAACGAGTAAGACCCATCTTTTTGTATAGCAATTCTTAA
CTAGGTGATTCAGGAGTCTTGTCTACTTGTTGATTGATACACACACTAAACGAATATATAGCCCTAACCTTA
ATTACTAATGTGTAATTAGTATGTAGCCTTCCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2955 XM_002888375 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* enoyl-CoA hydratase/isomerase
family protein, mRNA

GAAATTCATTCAATTCTGGTCTCCGACGCTGCACGACGCTCAGACCAGATGTGTTTCATTACAAAGAAGTGGT
AATATTTTTATCCTAACCCCTAACCGGTCCCGGTGAGCACAGATTCAATCCTCAGCTTCTAGATTCTATTTCGATCC
TCTCTTCGTCAAGTCCGCTCCGATGTTGAATCCGCCGTCTCCACCGACAGTTCCTCTAATTTTGTCTAATTACC
ACCGCAGAAGGTAAATTCTTTTCCAATGGCTACGATATCGATTGGGAAAAAACCTCAATGAATCAAATGATTC
TCATGGACGATAAATTGAAATCCGTCGTATCTGACCTAATCACGCTTCCGATGCCGACGATCGCTGCTGTTTCC
GGCCACGCGTCGGCCGCCGGCTTTATTTTCGCGATGAGTCACGATTACATCGTGATGAGGAGAGATCGTGGA
TTTCTGTACATGAGCGAACTCGACATTCGTGAGTGATTCCGCAATGGTTTTCGGTTCGTTTAAAGCAGAA
TCGGATCGGCGCGGTTTCGACGGGAGGTTGTTTTGAAAGCGCCGAACTGACGGCGGATAAGGCTTTGGAA
TTGGGGATTATTGACTCTGCCACGATGGCGCGGAGGAGACCGTTGCGGCTGCCGTGCGATTGGGGGAGGA
TTTGGTGGCGAGGAAATGGGACGGCCACACTTATGCCGGCAATCGGATGGAGCTGCTGTCTGAGGTTCTGAA
TGTATCGGAGCACGTTGTTCCGTCGAAAGCTTTGACGGTTTGGGAAACCGTGAGAGTGGCAGGTGATGGG
TGGCTTTTATCGTTTATATCATTTGAATTAACTAATAAAGTATTTGTAAAAAGATAGGATAA

>trans_s_2956 X74947|M.sativa mRNA for annexin

TGAAATCAATTTGCACTCAAATCTGATCTTATGAACAAAGACACTCTCACAGTTCAAGAGCACAAACAAGGAA
TCGATTAGTGGAATGTCGAGCATCAAAGTTCCTGACCATCTTCCTTCTCCTGCCGAAGACTGCGAACAGCTTC
GCAAAGCTTTCCAAGGATGGGGAACCAACGAGGACTTGATCATATCCATTTTGGCCCATAGAAATGCGGCTCA
AAGAAGTTTAATTCGGAATAACTATGCCGAGACATATGGTGAAGATCTTCTTAAAGAGCTAGAAAAGGAAGTT
TCGAGTGATTTTGAAGGATTGTACTTCTGTGGACATTGGAACCTGCAGATCGTGATGCATTTATGGTCAACG
AAGCAACAAAGAGGTTAACCTCCAACAATTTGGTTCTTGTGGAAGTTGCTTGCCTCGAAAATCAATCGAATT
ATTCAAGGTGAGGCAGGCGTATCAAGTCCGTTTTAAGAGATCTCTTGAAGAAGATGTGCGCATATCATACTTCT
GGAGATATCCGCAAGCTTTTGGTTCTCTGATAACCTCACTTCGATACGAGGGAGATGAGGTGAGCAAAACCT
TAGCAAAATCAGAAGCTAAAATACTCCATGAGAAGATAGCAGACAAGGAATTCAATCATGATGAAGTAATTA
GAATTCTGACCACAAGGAGCAAAGCACAATTACTTGAACATTGAATCACTACAATAACGACTACGGCAATGC
CATAAACAAGTGTTATCAAACAGCTGAGCTAAGGGCCACTATGTCAAATGAATGTGCATGTTTTTCAGGATTG
AAGGATGATCCAAATGATGAGTACCTGAAGTTACTGAGAACAACCATCAAGTCTCTTACCT

>trans_s_2957 NM_113159|Arabidopsis thaliana protease inhibitor/seed storage/lipid transfer
protein (LTP) family protein (AT3G22600) mRNA, complete cds

TACAAATCAAACCTCTTACCTTCTGAGTTCTCATCAAATAAACTAACTCTCCTCTTTACCATTCCCAGAAGTTTT
TGTATTAGTCCTCTATAGCAGAATGGAATACACAAGGATGGTGGCGGGTCTAGTTGCGGTTATCGTTGCTGTG
CACTGGGCAGGAGCAGCTGCACAGTCCGACTGTACAAATGTGCTGATCAGTATGGCACCTTGCTGAATTATA
TTACAGGGAACCTCTACCCCATCACAATCATGCTGCACACAGCTTTCAAGTGTTGTCCGTTACAGCCACAG
TGCTTGTGCCAGGTCTGAATGGTGGTGGAGCGTCGCTGGGGTGAATATCAACCAACGCAGGCCCTAGCT
CTGCCCCAAGCTTGCAACGTTTCAGACTCCATCTGTGAGCAGCTGCAATGTTGATTCTCCCGCCGGCTCTCCAGC
AGGAGCACCAGACTCTTCAAACAATGTTCTTCAGGAACTGGATCTAAGACTGTTCCATCAACAGACAATGGC
TCATCAGACGGAAGCTCCATCCATTTGTCAAAACCTCTACTATTCTCCATCTTGTTGGCTTCTATATATGCTTCA
GCTTTCAAGTTGTAAGTCTTCTTATCAGTAGCCTCTTTTCTACAAGTTTGGTTTATTGCTGGTCATTTATTGCA
TTTAGATATTTTTTGGAGTGTCCATTATTTTAAGCATCCCTTTTGTAGGGTGTGTTTATTCTATCTTCATATTCTC
CTCATCTGGCATTGTTTCCATGAACCTTTGATTGTATCAGAGATTCTTTTGAATAAAATACATGATCGTGTGCT
TGTGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2958 NM_001058901|Oryza sativa Japonica Group Os04g0281900 (Os04g0281900)
mRNA, complete cds

>trans_s_2959 AY273900|Gossypium barbadense clathrin coat assembly protein mRNA, complete cds

>trans_s_2960 NM_120726|Arabidopsis thaliana thioredoxin-related (AT5G06430) mRNA, complete cds

>trans s 2961 BT015479|Arabidopsis thaliana At1g62780 mRNA sequence

ACGGATAATGCTGCAAATTACAGATTGAGACGACGAGGACCCAAAGCCAGTGGTTCACAATCCCACCTTTCA
TCAATGGCCGCTCTTAGCTTCGGCTTTACCGCCACCACCATCCACCTACCATCAACTTCCATTGCTCTCGTCCC
ATTCCCCAGACCATAACCTGCATCGGATGGGACCCAGAAGGCCTCTTCGGAAGCCTCAGACCGGTCACATCG
CTCGAAATGAGTTCAGAGGAGGCTGGAGAAAGACGCCGAAGCTCGCGAGGCTTTCGAGCGCCACGTTAGG
GAAGAGAAAGAGCGCCGTAAAGCGCTTCGAGAGTCTCGTGTAATTCCGGACAATGTGACTGGCCTTATCGAG
TATTTTCTTGATACTGAAGCTCAGGATATTGAATTTGAAATCGCGAGGTTGAGACCCAGGCTGAATGAGGAGT
TTTTTTCACATGTAAACTTGAGCTGGGTGAGCTTAGATTTGCCGTTAACAAAACCGAGGCCATGGAAGATAG
AGTGATCGAGTTGGAAGCATTACAGAAAGCCCTTGAAGAAGGAATAGAAGCATATGATAAAATGCAAAGGG
AACTAGTAAAGGCAAGGGAAGGTTTAACCAAATATTAACATCAAAGGATGTAAAAGCTACATTGCTAGACA
TGGTAGAGCGAAACGAGCTCAATAGATCGTTACTCGCCCTTCTCGACGAAAACATAGCCAATGCACAAATGG
GCAACCAGAAACAAGCTGCTGCTTTTCATGGAAAAGGTTGAGGGGCCGTTCTCAAGTACATTACAGCTTAATA
TTATTGAGGTACAGATTTTGAATACTTTAGTTTCTTCTCAACAATCATATGAAGGGGAACACGTT

>trans_s_2962 NM_001067706|Oryza sativa Japonica Group Os08g0191600 (Os08g0191600)
mRNA, complete cds

ACTCCTTTCTTGCCGATTAATCACTCAAATACTGAATTTCCCAACCCCCTTTATGATCTTCTCTTTGGGCGAGTA
TACCATTACCAACCCACCTTCGCCTTTCTTCGCTTTTGATTATACTTTTGCTATATACCCAATACCCAATTCTTTCT
GGGTTCTAACGTTTCGTTTCTTGAAAATTTTCAGCCACCAATCGATCATAGCGTGAAATTTTCTAATTTCTTC
CATGGCCAGAAGTTCGTTCAAACCTTGGAATTCCTCTGGAAAAGAGGCAGGCTGAAGCTGCTCGTATAAGAGA
GAAGTACCCGGATAGAATACCTGTGATTGTCGAGAAAGCTGGGAGGAGTGACATTGCTGACATTGATAGGAA
CAAATACCTCGTCCCTACGGATTTAACTGTTGGACAGTTTGTTACGTTGTTGGAACGGATTAAGCTTAGTG
CTGAGAAAGCTATATTTGTTTTGTGAAGGACACTCTACCATCAACTGGTGCATTGATGTCTGCAATTTATGCG
GATAATAAGGACGAAGATGGTTTTCTTACATGTCATACAGTGGAGAAAACACTTTTGGTGGGTTCTTGAG
GACAATGACACATTTGCCTGTAAATTCTAGTTATGCTCTCCGATCAATCAAAGCATCAACTTTATATTTTCATT
CTATTCTAGTATATTTAACTTTCTATCAAAGGTGGTGCTCAAGGAGTGGCCTGAATGTTTTCGTTTTTTTTTTT
CCCTCTCTCAATTGAGCTGTGATGGAATAGCTATTCGCATCTTTTAGTTGTTTATATCAAGCAGTGAAATGATT
AAAAATTTCTGATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2963 NM_102432|Arabidopsis thaliana emp24/gp25L/p24 family protein (AT1G26690)
mRNA, complete cds

CTCTGATTTTCGTCTTCTTCAAAATACACAATACCGAATCTCTCTCCATTGAAAATTTTCTTCCATTTTCAACAA
TGTTTCGATTCTTCCCCGCTTTTCAGTCTCTAGTACTCATTGGATTTCTTCTTCTAGATCGGAATCTTTCGATT
CGACTTGCAGTCCGGCCATACCAAATGCATCTCTGAGGACATTAAGCAGAACGCCATGACCGTCGGCAAGTAT
CACGTTGTTAATCCCAACGAAGGCCAGCCCTTGACTGATGAACGCAAGCTCATTGTTGCGGTGACTTCGGCTA
CTGGGAATACCTATCACTATTCCGACAAGGTGGAATCGGGGCAGTTTGGGTTTGTTGCTGCGGAGGCGGGTG
ATTTTCATGGCCTGTTTTTGGGCTCCTGATCACCAGCCTCAGGTCACATTATCGGTGGATTTCGATTGGAGGACG
GGGGTGGCTGCTAAGGATTGGTCCAATGTTGCCAAGAAGGGCTCTGTCGAAGTTATGGAATTGGAGCTGCAG
AAGTTGTTTGAAACCGCCAATTCTATTCAAGAAGAGATGTATTATCTCCGTGAAAGGGAGGAAGAGATGCAA
GATCTGAACAGAAGTACAAACACAAAGATGGCATGGTTGAGTTTGCTCTCCCTTTTTGTTTGCTTATCAGTGGT
GGGATTGCAAATATGGCACTTGAAGACCTTTTTTAGAAAAAAAAAAGCTCATTTGATTTTCTTACTCGAACAA
AGTGATCTCTTTTATCTTGAACTATCATAACCAAATGAGCCTCTTCTCAGTGCAAATTAGTTATTGGTTTTT
ATATTGAGATACACTTAGGGATAAGAACTATAGTCTCTCTAAATCAACTTT

>trans_s_2964 NM_112438|Arabidopsis thaliana zinc finger (Ran-binding) family protein
(AT3G15680) mRNA, complete cds

ATCGCCATTCTTAATTCTTCTTCTTTTTCTTTCTTTCTTTGACCACTCTTAAGAGAGAATTAAAGAGAAGATGT
GTAGACCGGGAGACTGGAAGTGTAGGTCATGCCAGCATTTGAACTTCCAGAGGAGGGACATGTGCCAGCGGT
GCGGCGAACCGAAGAGCGGCGGCGGTGTGCGGAAGAGGTGGGTCTGGTTTCGGGTACGGAGGATCGGATGT
GAGGCCCGGAGACTGGTACTGTAGCGTGGGAAATTGTGGAGCTCACAATTTTGAAGCCGATCAAGCTGCTT
CAAATGTGGGGCTTTCAAAGACGACATGTCGGCCTTCGACTTCGATATTCTCGTCCTAGTCCTAGAGGGATT
CCCCATTTGCTTTTGCCAGCCCCGCTCGTGCTGCTGCCTCCGCTTGGAAGTCCGGTGACTGGATTTGTGCAAGG
TCGGGTTGCAATGAACATAACTTTGCAAGCAGGATGGAGTGCTTTAGATGCAGTGCTCCGAGAGACTCCTACT
AACAAAAGTAGCCAAGCCAAAATCCTCCTTCATCATCAAGTTTTGGGTATGCTCTCAACTGAGAAAAATTTCAA
AGAGACTTCATAACCTGCACTCTACATTTTTCTCCTCCCACTCTCTCTCTCTCTCTCTCTTTTTGTTTTCTGGTTT
TGTAATTTTTCTTAATGAGTGATGTTAATTTATGTGATGATCAAAAATTGAGATATTGTCCAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTAACCAAACCCCCCAACCCAA

>trans_s_2965 NM_180643|Arabidopsis thaliana NHL repeat-containing protein (AT1G70280)
mRNA, complete cds

CTTCATCTCCACGAAAAGGCTCCGAAAACCCCAATCTCAATCCTCTCCATCTCCACACCAATCGTTCGGCCACAC
TTCTCATCGACACCAAACCATGGAGTCTCAAAGAAATCACATCTCGACCACACTTCTCGGTTTCTCATTGATGT
CGACCAACCACGACATTTTGGTCAGCCCTACTAGATTTCTCAATCGACAGAGACCCACAAAGCTGACACCACAC
GACTCGGTTTCTCATCGACGATGACCCACCTCTCCAGTTCTCAATCTAAAATTTCTTATGATCCACCTAGCGACC
CATCTACTAGAAGCCTCATCCGTCGGAAGGAAATCCTTTACGCAGAACTTCATCATTTTTGTTGAGAAAAAT
TGATTTTCATGCTATGTTCTCTTTCTTTTTTTTTGTTTCTATGTTTTCTTTGGTTCTTTTTGGCGTCTCTTGATGT
GCACGTTTGATTTTGAAGAACTTTCTTGCTGTTTCTCCTTGTCGATGTGTTTTAAATCGTGAATGATTGCACTTG
TATGATTTTTTATAAGCATTTCAATTTTCACTTTATTGCTGGAATAAATGTTGAGAAAATGAGTTTTGCACCTTT
AAATTTGATGTCGTTTATGTGGGAAGTAGCTGCTCTTTTTTTGTTATAGATAGAGGAAACAAGGCAATTTGAG
AGATTGAACTTAACTACGATGACTGCAATACCAACTTGGGTAGAATAAAAAGTTATTGTTGGTTGCTACAAA
TATTTCCGGTTACCTTCTTGCTTTGCTCCAAAGTAGGTTGAAAAGCTATGCTTCTTCACAGAAGGATCAAGATG
TAAGAAGTCAGAAAATGATCCAATCACCACGCCAGTTGAGCA

>trans_s_2966 NM_103884|Arabidopsis thaliana CLPR1; serine-type endopeptidase (CLPR1) mRNA,
complete cds

AACGGCGAGTGATCTCGACCGGAGAAAACTCGGACCTCTAAAATCTATAGGGAGAATCCGTCCAAGCTTCTC
TCCATGGCGACTTCTTCACTCTTCCATCTCTGCTCCACCGTCGTTAGCCATCGACAGCTCAAAGTCGTCTTTC
CTCTGTGGTACTCAGCTGCCTTTACCTTCCTCTCGTTTGAGAACTTCATGTCGAGATATGTCCTATCTCCCTCC
GCCCCAACAATCCATGGACCACATTCCTAAGCAGTTTAGAGGAGAAAATCTCAAAGATGGATTGATTGAGAACT
ACAAGAATGCTCCTAAATATCTTTATGGCCTTACACCTTCACAAATGGACATGTTTCATGACAGAAGATAATCCT
GTGCGGCGACAGTCAGAATTAGTTACTGAGCAAAACATATCATCTTCCTACAACTACTTGAATCATGGAGGAA
TGTGGAGTCTAACTGGCATGGATGGGAAGGGTCCCGCGAAATATAGTATGAGCGTTAGCATGTATCGTGGGG
GAGGAAGAGCAGCTGGACGACCTCGAAATGCTCCTCTGATTTGCCCTCTTGCTCTTAGATGCTCGTATAGTC
TATTTGGGCATGCCTATTGTACCGGCAGTGACTGAGCTTCTTGTTGCTCAGTTTATGTGGCTTGATTATGACAA
CCCTTCGAAGCCCATATATCTCTACATAAACTCTCCTGGGACTCAGAATGAGAAGATGGAGACGGTTGGATCT
GAAACTGAAGCATATGCTCTTGAGATATGATGTCTTACTGCAAAATCGGATGTTTATACCGTTAACGTTGGGA
TGGCATTCCGTCAAGCGGCAATGCTTTTGTCACTGAACCAAGGGTTACCGTGCT

>trans_s_2967 XM_002876654|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NPL4 family protein, mRNA

ATTTCTCTCAATTCAGTTATTTTCTCAGAACTTCATACTAAGAAGAACAGTTGTAGTTTTGTGAATCACCATGAT
CCGGCATGACCTTAATTTGGAGCATATAAAAAACAATGGTAGCCAACTAATTAGGACATTAAATTAATTT
GTGGAGTCTTATGGATACAAAACGGCTCTGCCGACATTTGGTAATAAATATTTTATTTTAGAAGGAAAAAA
TTGTTAATTGATATAGTGACAATTGCACTTAGGTAGCAAGTACAAGCTTGTTTAGGATGGTTTGAATTGTAA
AATAAATTGTCATGTCATGTTGAGAATCATTTTAACACTCTAAAACTAAAAGTGGATGGATTCAACACCCCTTC
TCCTGCAATACCGTTCCACGTAGAAATAGCAGAAAGCCACCAATTAGAATTAGTTAGAAGCTCATCTGGTTATT
GTGATTTTTTCTTGGGCTTGAATGGCATAATTCTTTCTTCTGTCAATTCTAATTTAACACTTTGCCTTTTCTTAC
CTTTTCTCCCTCATCTCTAATCAATAGCCCATCTATCCATCTTCTCGATCTATGTATATATATCAATTGATGTTG
TATGACAAAGCAGATATCGGTATGATTTGTCTGTTGAAGAAGCTGCCGAAGTGGCTAGACGAGCTATTTATCA
TGCAACTTTCCGAGATGGTGCCAGTGGTGGAGTTGCTAGCGTTTATTACGTGGGACCAAATGGATGGAAAAA
GCTTTCTGGCGATGACGTAGGAGAACTTCATTACAACACTATCCCGTGACACCAACTACAGTCGATCAGGAA
ATGACTGAAGTAACTGCCGCTTGATGATTGGATATAGACTCGAGCAAG

>trans_s_2968 NM_112942|Arabidopsis thaliana PAP18 (PURPLE ACID PHOSPHATASE 18); acid
phosphatase/ protein serine/threonine phosphatase (PAP18) mRNA, complete cds

AAAGCAAGCGAACGAACTCGCGTGAAAAATGGGAGCGAATCTAATGCTCTTCATCTTCCTCTTCCTTTCAATCA
TCTCCAGTTTCAGAGCTGATTATGTACGTCCTCAGCCACGTCAAACCTCTGCATTTTCCACGGAATCCGAAATCAT
CTTCTCAACCCCACCAGGTTACATCTCCCTGGCAGGAGACAAGCATATGAGAGTCACATGGATTACCAAAGT
TCATTCTGCTCCATCTTATGTTGAATATGGAACATCGCCAGGAGAAATATACCTCTGTTTCTCAAGGAGAGAGCA
CCTCGTATAGTTATATTTTCTACAAGTCAGGAAAGATTCAACATACAGTAATTGGGCCTCTAAAGGCTGGCACT
CTTTATTATTACAGATGTGGAGGAGAAGGTTCTGAGTTCAGCTGAAGACACCTCCTCCAGTTCCCAATTAC
TTTTTCAGTGGCAGGAGATCTGGGTCAAACCTGGATGGACTAAATCAACATTGGAACACATTGATCTGTGCACA
TATGATGTGTGCTTGCTTCCAGGTGACCTGTCCTATGCTGATTACTTGCAGTACCGGTGGGACACTTTTGGTGA
GCTTGTGGAGCCGCTTGCAAGTACAAGGCCGTGGATGGTAACTCAAGGGAACCATGAAAAGGAGGACTTATT
GATATTCAAGGCTCCATTTGACTCCTATAATGCAAGATGGAAGATGCCATTTGAGGAGAGTGGATCAAGTTCA
AATCTCTATTATTCATTGAAGTTGCTGGAACCTCATGTGATTATGCTTGGATCGTACACTGATTATGATGAGTCC
TCAGATCAATATGCATGGTTGAAGGCTGATCTCGCAGAAAGTGGACAGGGGAA

>trans_s_2969 X15425|Cucumber DNA for malate synthase (EC 4.1.3.2)

AGAGACGATCCGAAGGCAAATGAGGTAGCACTTGAGCTAGTGAGGAAGGACAACTGAGGGAGGTAAAGG
CAGGGCATGATGGAACATGGGCAGCACATCCTGGACTAATCCCGCTTGTATGGAAGTCTTCTCCAACAACAT
GGGGAATGCCCCAACCAAATTCAATCCATGAGACGTGACGATGCTGCAAACCTTGACTGAAGAAGATCTCTTA
CAACGACCAAGAGGTGTACGTACAATGGAAGGGCTTCGCTTGAACACCCGAGTTGGGATTAGTACCTAGCC
GCATGGCTAACCGGGGCTGGCTCTGTGCCTCTATAACCTTATGGAAGATGCAGCAACAGCAGAAATTAGC
AGGGTTCAAACTGGCAATGGCTGAAGTATGGAGTGGAAATTGGATGGAGACGGGCTTGGTGTGAGAGTGAA
CAAGGAACTGTTTGGGAGAGTTGTGGAAGAAGAAATGGAAGGATTGAAAGAGAAGTTGGGAAAGAGAGA
TTCAAAAAGGAATGTACAAAGAAGCTTGCAAGATGTTACAAGGCAATGCACAGCCCCAAATTTGGATGATT
TTCTGACCTTAGACGCTTACAACCTATATTGTGATACATCATCCAAGGGAATTGTCCAAGCTTTGAAAAGTGAAA
ACCACCACCAAAACACTTGCTTTTGCTTACATTCTTCTTGTGCTGAGAATAACGTATTGTAATGTAAGTCTT
TGTTTGTCCATTTCTTTTCAAGCTGTGTGGTTATTTCAAGAAATCCAGCAATTGCAAGCAAATTTGGGATTCGG
TACTTCTCTATATATAAACCTATATTTTCTGTAAAAA

>trans_s_2970 EF672636|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 10 (FLA10)
mRNA, complete cds

AACGATGTTTTGTCCTACGGAAGACGCACTCAACGCATTTCTTCCCAAGTACAAGAATCTCACGGCGGCGCAT
AAAGTATCGTTGCTATTGTACCACGGTATGCCGATTTACTTGTGCTGCAGATGCTGAAATCGAACAACGGCG
TCGTGAACACGTTAGCGACAGACGGCGGCCAAGTACGATTTGTCATCAAGACCGACGGCGAGGACGTCA
TGGTAAAGACGAAGGTTGTGACGTCGACGGTGACAGCGACGCTGATAGATTCCGAGCCGTTGATAGTGTATG
AGGTCGATAAGGTATTGCAGCCGAAGGAGCTTTTCAAGGCAGTACCGGAGGAGGAGGAGGAGGCTCCAGCG
CCGAAATCATCGCCGAAGAAGAAGAAGACAAAGGCACCATCGCCTAAGGCATCGGACGGAGAGGAGGCCGA
GGATGCCGACTCGCCGATTGGGTCGGATGAGTCGGACGGGGAGCCGGCGGATCAGACATCAGAAAAGGATG
GAGCGTTGGGAAGGAACGGAGAGAGATCAATGGCGGTGGTGATGATGTTGAGTTTGTGGTTGGGTGTTTTG
CTCGTATGATTTTTATGATGGAATGGAGGGGTGGCGTTATATTAGAGGTCCGTTTTATTCATAGAGCAAAATA
AAGAAAAAGTCCCCTTTGTATTTTGGATTTTTATTTTGGAGAGTGTGCGGTGATGTTTTTCATTTTTATTTTTT
GGATGGTGTACAGTCACTTTAAATATAAAATTGGGTTGTATTTTCTAAGTGATTTGGCTTCATTTTTTCCCCCA
TTTTCAAAAAGAACAATAATTTATTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2971 FJ014475|Camellia sinensis zinc finger protein LSD2-like protein mRNA, complete cds

AGAAGTTAGGGAGCCAAAGCGCGGGACGCCGTTGTCCATGGAACAACAACATGACCGATTCTTAAGGCGAC
AGATCGAGAGAATGGATGTCCATGAAATCGAGAAAGACGAAGATGACGGCCCTCCTCCTGGATGGGAACCCA
TCACTCCATCCTTGCTCTACCGCCGAGCCGCAACTTTCTCCAGCTGACATGGCACAATGGTCTGTGGTACA
TGCCGTCGCTGCTTAAGTATTTAAAGGGAGCCAGATATGTTCAATGCTCTTGGTGTCAACAGTTAACTTTGT
GTTAGAAGCTCACGAGGTTGGACAAGTTAAATGCGGTTCTTGTGCGGTGTTGCTTATGTACCCATATGGAGCA
TCATCAGTTAGATGTTCTTCGTGTACCAGTGTGACAGAAATTGGGGTTCATAATAGACGGCCACCGTGGTCTG
TTCAGCAGGGACAAGCAGCCCCTCCTACCAACTTTGTTCAATAGATTTTGTCTTCTGAGTTTCATTTAGGAAAA
GATGTTCCATTTCTGAGTTTTTCTTTCCGTTGCAGCCTTAATCAGCAGGCAGAGAAAGAAAGAGAAACTA
TCAATCATTAGTGCCACTTTTATTTCTTATTATTAGCTATTGAGTTTATGTAAAGAACTTAGGAACTCACCTTC
TTAACTTCCAACATTTTTTTTTTATCTTAAGTTTTTTGACTTGTGACTTGACTTGTTGCTTTGTGTTTCATTTTTTA
ATGCTGCTGATTGGAGCCCTTATTAGTTGCTGCCAATCTCTGGGGTGTACTTAATTGTAATTTGTAATGGTAT
GAATCTTTTTTATTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2972 NM_128211|Arabidopsis thaliana HEMD; uroporphyrinogen-III synthase (HEMD) mRNA, complete cds

ATCTCTGCTCAACACGTTTCCCATGGCTTCAGTTTCTCTCTCTTCTCTCATCCGCCTTCAGTTGTTGTTCTT
TCGCCCTGTCTGCAATTTTACCGGCGAATCTTACTTCCCGTAGAACTCTTGCTTGTCGTCCTCTGCTTGGATT
TTTCTTCTTCTTCTTCGATCACGTCTATGTCAATTTGCGCGCCGAAAGTAGTGTTACCAGAGAGCGCGGCAAG
AATGGGAAGCTCGTTAATGCTCTGGCAAGACACGGAATAAACTGTTTGGAACTTCCCCTCATTCAACACAGAC
AAGGACCTGATTTGAATAGGCTACAGTCCGTACTTAGTGATACTGTATTTGACTGGATTGTCATAACTCCCCT
GAAGCTGGCTTGGTGTTCCTAGAGGCATGGAAGGCCGCTGGAATGCCAAAAGTTAGAATAGGTGTTGTGGG
AGCTGGTACAGCTAACATTTTTGAGGAAGTGTGCAATCATCAAACTACTTGAAGTGGCATTGTCACCCTCAA
AAGCAATAGGCAAGGTCTTGGCTTCGGAGCTTCCAAAGTTAGGAAATACAAAGTGCAGTGTCTTATATCCTGC
ATCTACTAAGGCTAGCAATGATATTGAGGAATGTCTTCAAATCGTGGATTTGAGGTCACGAGGCTCAACACC
TACACCACGGCACCTGTCGATTACGTTGATCAAACCATTCATGAGCAAGCACGTTCAATGCCTGTTGTCACCGT
GGCTTCTCCTTCGGCAGTTTCGCGCATGGGTCAATCTTATCCAGATCCAGAGGAGTGGGATAAGTCGCTTGCG
TGTATTGTGGAAACAACTGCAGCAGCAGCGAATAGGTTAGGATTGAAAAA

>trans_s_2973 XM_002877509|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S20, mRNA

AATTTGCCCCGATATGTCTATTAGCATTGCGGCCTCTAAGTCCACTGATATTAATACAAAAAACCTACCTTTC
TTCTCCCCACCTCTTATAATCCTCCCCAGCTGAAATAACCTACCTCAGCCGTACCCGCCGCCCTTTGCTCCGGTA
GTAAGTAAGTAAGCAAACATGGCGTATGCAGCAATGAAGCCTACGAAGCCTGGTTTGGAGGACGCACAAGA
GCAGATCCACAAGATTAGAATTACTCTATCCTCCAAGAATGTGAAGAACCTTGAAAAGGTTTGTGCTGATTTG
GTTGCGGGTGCCAAAGACAAGAGACTGAGGGTTAAGGGACCTGTGAGGATGCCAACTAAAGTCCTCCACATC
ACCACAAGGAAATCTCCCTGCGGTGAAGGTACCAACACATGGGACAGATTTGAACTTCGTGTCCACAAACGG
GTCATCGACCTCTTTAGCTCTGCTGACGTTGTTAAGCAGATCACCTCGATCACCATCGAACCCGGTGTTGAGGT
TGAAGTCACAATTGCCGATTGATGTGTCCCATATTTCTGAAGTTCTTAAATCCACTTCATCGTAGTTATCTAGAG
TTCTATGTACTCTGTGTGCCTGCGCTATTTCAATCTCAAATGTTAAGGTTAATGCGTTATCCATTTTTGTCATAAT
TTTGAAGTTCATAACTAATTCCGAGAGCAAAATTTTGTCTCCTGTCATTTGTTTTGGAATTTTTTTTTTACTTA
GATGAAAAGTTAGAATATAATTCCATGATCTGTATTCTGCTTTTATGCCCTTGTTTAAATGTGGATGGTCTT
TCCATATCCATTTATTTTGATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2974 AY107900|Zea mays PCO093526 mRNA sequence

ATCCTCACCTTTCCGATTTTCGGCGAGCGTTGAGTTCGACACTCTCCCTCTCTCCGGTCAGCTTCGGAGGAA
GAAAAAAAAAAAAAACTCTGTTTCAGCCGTCGCTGTCTTAGGAGTCCATTGCTGCGCTGTCGCTGGTGCCGT
CGCAGCTGGTCGTCGGTGCCCGTCACACCCTAGGTTTCTGTCTGTTCTCGGCATCATCGTGGGTGATTTTTTC
TTCCTCTGTTTTCGGGTTTTGTATCATAAAATTGGGAATGGGAGATTCTGAAGTTGGTGCAAATTGACGAGG
ATGGTGTTTGTTACTGTGGGAACAACGTGTTTTGATGCTTTGGTTAGAGCAGTGGACACTGAGCAAGTGAAAC
AAATACTATATGCTAGAGGCTATACCCACCTTCTCATTCAAATGGGACGTGGTACATACAATCCAACCAAGTCC
CATGGAGAAGATGGGCTTGTTGTAGACTACTTCTCCTTCTTCAAGCATAGCTGATCATCTAAAATCAGCATC
TCTTGTAATTAGCCATGCTGGGTCCGGAAGCATATTTGAGACGTTGAGACTGGGTAAACCTTTGATCGTTGTA
GTAAACGAAGATCTAATGGACAATCATCAATTGAACTTGCAAGAAGACTAGCTGAAAGGAAACATTTGTATT
GTGCTCGTCCCCAAACACTACATAAGACTATAGAGAGCTTGAATTTGGAGTCTATAATTCCATACACACCAGGT
GATGCTAAACCAGTTGCCGCGCTCATTAATAAGTTTCTAGGCTTTCCAAAGATTGATGAAGTTGTAAAGCTTCT
TTCTCAAATTAATACTCTTTAGTTCTTGAGATTATCAATGTTAGTAGCTTCT

>trans_s_2975 NM_115680|Arabidopsis thaliana PBS lyase HEAT-like repeat-containing protein
(AT3G58180) mRNA, complete cds

ATCCCCAAAAAATTCCACTGCTCAAACATCACGATTTCCCTCTTCAAACCTCTTCTTCCAATTTCACTTCACTACC
AAAGCTCCAATTTTCATGGCCTCCGTCAATGGCCACGGCGATGTTTCCTTCTTTTCTGTTCTTCCGATATGGAGA
AGTTCCTCTGCGACCGCTTGAACGACCCCTCTTGCCCATTCGAGACCGCTTCCGAGCCCTCTTCTCCCTCCGCA
ACCTCAAAGGCCCGCCCTCGCAATGCTCTCATTATTGCAACTAGAGATTCTTGAATTTGTTGGCTCATGAG
GCTGCATTTGCATTGGGCCAAATGCAAGATGCAATGCCATCCCGGCTTTGGTGCGGTTCTTAATGATCTTTC
TTTGACCCCCATTGTTGCGTATGAGGCAGCCGAAGCTCTAGGAGCTATTGGCTTAGAGAGTAATATTCCATTTT
TAGAAAAGAGTTTGGCTTTAGATCCTGCACAAGAGGTTAAAGAGACATGTGAATTGGCTCTTAGGCGAATAG
AGCAACTGAAAGATTCTGGTAACGAAGATGAATCATCTACAGTTGAAAAGTCACCATTTTTGTCTGTTGATCCA
GCTGCACCAGCTTCTTCCAGTGCCTCTGTAGGTCAACTGAGGGAAATTTCTTCTGGATGAAGATAAAGGCATGT
ATGAGCGGTATGCAGCGCTTTTGTCTTACGAAATAATGGCAATGATGAAGCTTAACTGTGATTATTGATTCT
TTAAGCTCTACAAGTGCTCTGCTAAAGCATGAGGTTGCTTATGTATTGGGCCAATTGCAAAAGAAAGCAGCTT
CAGATGCTCTCTGATATACTTGAAGATGTTAAAGAGCATCCAATGG

>trans_s_2976 AB024282|Arabidopsis thaliana AtcysC1 mRNA for cysteine synthase, complete cds

TAAATAGATTTAAAAAATAAATAAATAAATTGTTATTTTTATTTTTAAAAATATCCATAGGATTTTTATATATATATATTT
GAAAAAGTAAGCTTAAGTTCATAATAATTCATATAACATTCTACTTTCTAGGTGGAAGGTTGGATTCCAACCCC
TGCAATCGTTGCACTCTAATCTCTGAGTTCATTATTAATTTTTTTTAAATATGCATAAGCCTAAGTTCATTATTA
ATATCACTTTTCACTTTTGTAAGTCTACTTTTACGGTGTATTTTTAACATAAACATTATTATTATTTAATTAAGT
CAAATCACCAAGCTAAGAATCATTGAATCAACTAAGAAAAAAATTTGCGTACTAATTGAATGACCTTGTTT
CCTTTTTAATAAATAAATAAATAAATTGTTATTTTTATTTTTAAAAATATCCATAGGATTTTTATATATATATATTT
CAATTCTCTATAGTAAAAAGAATCAACGTTAGTACAAAATAAATTCCAATTTCAAAGCAAAAGAAAATTTGG
AAGAAAGAATAATCAGAGTTCATGGACGAAAATGTAAAAAGAAAGAATCGAGGAACCTACATGAGCAG
CATCTCGTCTAACAAGTTCAGGAAGATCCTTAGGCAGATCTCTAAGTCTCTGAGCGAAAGAAGAAGAAGA
AGAAGAAGAAGAAGTCAAGAACTGTTGGGTGGAGAACAATTTCTGACCGTCTGTCGAGCAACCGTCCGA
TGAAATCCCTGCCTTCTGCTTACCAAATCTCTCAAAGCAGCGGCAGCCATTGATGTGGATTACAGGACCGCT
GCTTCTTAGGAGAAATTAAGAGAGAAGAAGATGAGATTGGGAGTGAT

>trans_s_2977 NM_001083993|Arabidopsis thaliana galactosyltransferase family protein
(AT1G05170) mRNA, complete cds

GTCTCTCACTTCTCTTCTTCTCAACTTCCTTAGCTTAGAGAGAACAAGAACAAGAAGAATTCTTTTTATTTG
GGAGTTGAAGAAGATAGGAGCAACCCAAATTCAATTCAATAAACTCCACTTTTTGTTTTGTTTTGTTTTT
TTCTTTTTGAATCGCGTGATTCAAATCTTGTTCTACACCTAATTTCTCAAAATTTCAACTGTTTTATTTCTTTT
TCCACCTGGGTCTACTTGATTCTATGCTTATGGTTTTTTGTTGAGATAAACTTGTTACCGGGCAGCTTAAGTTA
GAATCTGGGCAGAAGATGTCCTGGAATAAAGCCGGAACAATCTTCAAGAAGCGTCATTTGCGAGAAATGG
GCAGTTTTTCTTGCCTCGGCAGCTTCTGTTGGGGATGTTCTTCAAAACAGGATGTGGAATGTTCCAGAACC
TAAAGGAATCACTCGAACAACGCCATTTGAAGCCGAAAAGTTAAAGTTAGTTTCAGAAGGCTGTGGGCCGAA
ATCGTTGGATGAGAAGGAAGTAAAGCGCGTGTGCAAGATATTTTCGGGGAAGTCTCTAAGACTCACAATGC
TATACAAACATTAGATAAGACAATTTCAAATTTGGAGATGGAATTGGCTGCTGCAAAAGCAGCTCAGGAGTCT
ATACAGAGCGGTTGCTTCTCATCGGATGATCTAAGAATACCAATCATCTGGGAAAAGAAGATACTTAATGG
TTGTAGGGATCAATACTTCTTTAGTAGTAGAAAAAGACGAGATTCAGTTCGTGCGACGTGGATGCCTCAGGG
GGAAAAGAGAAAGAACTAGAGGAGGAGAAGGGGATTATATTCGATTGTGTC

>trans_s_2978 NM_001061694|Oryza sativa Japonica Group Os05g0310800 (Os05g0310800)
mRNA, complete cds

AGCTCATTGTTTTCTTCTTCCGGCCGACCGGCGCTTCTCGATTTCAATTCGAAGTTAATAGATCACTCTCTCT
TTCCTCCGCGTTCCTCAATTTAGATCTCTCCCTGTGCGTCAACAACTTATCGATTCCGCAATCCTCCCTGGT
GCGGAAGACACAATCTCTTATCTGTAGTCGGTGATTGTTGATTTGCACTCTCATATCTTTAAGAAAATGGTT
GTTTGCCGCATCCATTGTTAGCAAGTCCGGGAAAGTCTTGTCTTAGACAGTTTGTTGATATGTCTAGAATCA
GAATTGAGGGCCTTCTTGCTGCTTTCCCAAAGTTGGTTGGAAGTGGAAAACAGCATAACATATGTGGAGACAGA
AAATGTTTCGCTATGTTTACCAGCCAATAGAAGCTTTATACCTGCTTCTTGTAAACAAATAAACAGAGCAACATCC
TTGAAGATTTGGACACCTTAAGGCTCCTTTCTAAGCTTGACCTGAATATTCATTTCTATGGATGAAGAGGGA
ATCTGCAAAACAGCTTTGATTTTGTCTTTCGATGAGGTTATTTCTTGGGCACAAGGAAAACGTGAC
TGTTGCCAGGTTAAGCAATACTGTGAGATGGAAAGCCACGAAGAGAAGTTGCACAAGTTGGTATTGCAGAG
CAAGATAAATGAACTAAGGATGTCATGAAGCGAAAAGCAAGTGAGATTGACAAAAGCAAGATTGAAAAGA
ATAGGGGTGACAAAGGAGGCTTTATATCTTTACAGTCTATGGGATCAGGAAAAATTGATAATGGTCTCGGTG
ATCTGGGCATATCATCAGGTGGTGGAGGTGGTTTTGGTAGCAGTTCTGGTTTT

>trans_s_2979 AL161550|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 50

AAGCGAAATTTTGATGAAAACCTTATCCTCTTTCACTGCTCTCATCCATGGCGTCCGTCCTGCTTCGCATAGTG
AATACAAAATGTAAGAGACGAGTCGACTGTATTTCAAGTTTCATAGACAAACCTTCATGGCCGCCATTGCCGGA
TCTCTCAACCTTCCTCTTGCGCCTTCAAACCTTCCATTACTCCGCATTAAGCAGAAAAATTGTGAATTCTCAATCC
ATATAAAAAGCTACGAAAGAAATTGTTTTCCAAATTTAGACCAACCATTAAACAAAACCAAACCTCGCACGAAC
CATCCCACGAGTTTAAATGCAACATTGAGGCGTCCGAAGGGATTGCGACCAGCTCCAAGGAAGAAGAAGATG
AAGAAAACAAAAGGAGAAGGAAGGGAGGATGATGACAATGACGAAGATGAAGAGGAAGACAACGAGGAA
GAGGAAGGTGGTGTAATACCAGAAGTAGTGACAAATAGGATGATGAGTAGAATGGGATTACGGTGGGGAT
TCCATTGTTTATAGGGCTATTGTTCTTCCATTCTTCTATTACCTCAAAGTTGGGCTGAAGATTGATGTGCCCTC
ATGGGTGCCAGTCATAGTCTCGTTCTTCTTCTTTGGCTCAGCTCTTTTGGGAGTTAGCTATGGAATTGTGTCTC
TAGTTGGGATCCTATGAGGGAAGGCTCTTTATTGGGTTGGAATGAAGCTCAGAAAAATTGGCCTGTTTTTTGG
CAGTCCATTTGGGGTGGATCTAATAAGAAATAGATGAATTGGCTTTTATCTTCTTTCTTTTCTTTCTCTGG
TTCTTTTCGTATAAATATTATGGTCTTTTCTATAAGTGATATGAGAAGCTAAA

>trans_s_2980 AF180292|Medicago truncatula MTD1 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTCCCTTCCCCTTTTTCTCTCTCCTTGTGTCACTGTTCAAATTCAAAGTCGTCATGTCGATTACT
TTGGATAGGGTTCGGCAGGTTGATGGTAAACGCTCTGGATTCTCGCCGGAAGATTTGGGTTATGGATCGGTG
TTTCAGAGGTTGGTACTCAGGATGTGGATCGCGCTGTTGAAGGGTTTCAAAGGAGGAGGATGCTGATGAA
TCTAATACTTGCAGCTCCGCTTCCACTTCTTCTCTTCTTCGATTGGGAGGATTAGTGATCAGTCCGATGATGAG
GATAACGGTGAGAATGATGAGGTCCAGAGCTCATATAAAGGCCCGCTTGATATGATGGATTCCTTGGAGGAG
GTTTTGCCTGTCAGAAAAGGCATCTCAAAGTTTTATAGTGGAAAATCAAATCTTTCACGAGTCTGGCCGATGC
CTCCTCTGTAACTCTATGAAAGAGATTGCAAAGCCAGAGAATGCCTATTCCATGAAACGTAGGAATCTTATG
GCCTACAATCTTGTGTGGGAGAAGAATAGGAGTTTTCTCTCAAGAACACGGTGGTGGTATATCAAAAAGA
CCAATCAGCTCAAGCAAAAGCTCCTTGGCTTTGGCTGTTGCTATGAGCAGCTCCGAAAGTAACAGCAGTGAAG
ATTCAAATTCTAGCTCATATTCAAGTTCTCCACCGCCTCGCCACCTCTACATCCACAATCCAGACCATCTAACA
ACAATTTCCCTTCATGGTGCCACCTCAAAAAACTTTCTCCACTTGGCGTTCATATTCCTTGGCTGATTTACAAG
AGTGCGCCACCTTGCTAATAAGCCCACCTAACCAATCTGAAGTACCCCA

>trans_s_2981 AY062555|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T18E12.18; At2g03150) mRNA,
partial cds

TCAATCTTCTCATGTTACTAGGGTTTCCTATCAAACCTCTCGAAACCTTATCGTCGGGCTTCACTTTCTTGGCTGTT
CTAATATCTCATTTCTCCACTTCCAGGGTTCTTCTTTATCGTTGAAACGTCAAACAATATGTATTCATCTAGAG
GCACTGGTAACTATGGACAGCAGTCATCATATACTGCGCAGACTGGATATGGCCAAAATTTGGGAAATGTCTA
CCCTGGGAATTCTGTTGGGGGACCTGACTCCCAACAACACTCCATTGCGACTAGGCACTCCTCAATGTTGGGA
GCTTCACAGGAAGCTGATACTGCTGCATATAGGTACATCCATCTAGCACCACTTATGGAGGACAGTATAGTT
CTGTTTATAGCTCAGCTGCATTGAGTAGCAAACCACAGGTCACTCAACTAACTGCCAAAGGGAGCAGTGTTCC
ATCAGCTTTGGAAGGTGCGGGGAGGCTATGCCTCAGCCATTGCCGATTCCCCCAAGTATCTGTCAAGTGACTAT
ATATCATCTTCAAGCCATGGCTATGGACATAGAAGTATGATGAGTTGTTCACTGAAAAGGTCACCGAATATCCTAC
TCTTGATAGGCGACAATACAATGAACGTCAGAGTGCTTGCTTAGGAAGGGATTTGAACACTGATGCAGCTGG
GCGATTTTCCGAATCTTCTGTTGGTTTTGGCCATCAACGTCATGCTGACTCGTATGACCGTGTTGATCAGATGT
CCCTGCTTCGTCAAGAGCAGTTGCTAAAAGCTCAATCTCTACAATCAGATGCCCTTGATGGGAGCTCAAGACA
AAATGATTATCTTGACGAAAAGCTGCTACTAGTCGTCACTCAACTCAAGAGT

>trans_s_2982 NM_101485|Arabidopsis thaliana TMS membrane family protein / tumour
differentially expressed (TDE) family protein (AT1G16180) mRNA, complete cds

AGTGTTTTACCTGCATCGGTCATATCGCTATACTGCATGTATCTCTGTTATAGTGGACTTGCTAGCGAACCAAG
AGACTATGAATGCAATGGTCTCCACAAACATTCCAAAGCTGTTTCCACAGGCACTCTTGCCTTGGGTCTTCTCA
CGACTGTTCTATCGGTAGTCTATTCTGCTGTTCTGTGCTGGTCTTCTACAACCTTGCTTTCCCCTCCAAGTTCACC
CCGTGCAGGAAAGCCATTGCTTCCACTGGAGAAATCAGATGAGCACGAGGAAAAAGAAAAGTCAAAGCCAG
TTACATATTCATATTCATTTTTCCATATCATCTTCTCTCTGCTAGTATGTAAGTCTCAGCAATGCTCCTGACTGGATG
GACCACCTCTGTTGGCGGAAGCGGCAAATTGGTTGATGTCGGCTGGGCATCCGTGTGGGTTCGTATTGTGACT
GGTTGGGCTACTGCAGCATTGTTTCATCTGGTCTTTGATTGCCCTGTTCTGTTCCCAGATCGGGACTTCTGAGT
GCTTATTCGTCAAACCGTGAGAAATATTTGGTGATGTTAATGTGTCCGAACCTCTTCAGTAGATATTATATCAAT
CACTTATCATGTGCTTAGGAAATTTCCAATGTGTATATGTAGAGCCTGAAGGATCGCTATAAGCCTGGACTTTA
ACTTGTTTGAAGACATTGTCTTGATTGCATATGATGAATGAAGAAAGTTGTGTAATATAGAAGTCCAAAAAG
TGATTGATCTTGGGCGCGAAAGGGCCTTTAAATAACATGTTCTAATGAAGTTGATTTTATAAGTTTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2983 AY062252|Medicago truncatula type IIA calcium ATPase gene, complete cds

ACCCGTGATGAATCTGTCCAACCTCGCTGAGATGTTGTGAAGCCAAGACCCTGCTTCAGGGAGAACCTACTTGG
TGGAATAATATTTATATGAGTTAAGTGGATTGACTGAGGTTTCAGATAGGACAAAAAATGTTTTAAGAGT
AAGGAATAAATTTATAATTTAGTAGAGGTCTGTGGTGATTCTGTCCTTACTGAGATGTTGTGAGTTATATGGAT
TTGACTGGTTTCGTTTTTGGCTGTTTTAATTTAAGTTCACAAACCCGTGTTAGCATATTCACATCTTTTGAGTTT
AACTATACTCATCCCTTTTCAATATGGGTATGTAGTCTGAAAACTCGAATATTTTGTGTTGTCATCAGCTTCT
TCTCGCCTGACTTAGGAGACTGGAGTTAATAACAGCACGAAATTTTCTAATATATTTGGAAAATTTATATTGT
TTTTTTATTGCTTTTACAATCACTTTGTATTGCTCAAAGGCTTCTTTCCTACATTGTACGTTGTTGATTGATAG
TTATGTGTGATGACAATATCTAGCAAGCTGAAGAATGACCGCGTGAGAAGTTGTACTGTCTGAAGTTTCAGAT
GGAAGTTTGTAGATGTACATGGTATACTACTTGGTTATACTCTCAGCTGTTAAGTACGACGTAGGCATGAAGA
TATTTTGGAGGTCTCGATTTCTTAGTGTGCCTCCTTCTCTGCTGTGAATCTCCCTCTCGTCATTGTTATTTGAT
TTATTGTTTTAGATATATTTGGCTAGTTTTATTATTTGTTGATTTTTAAAAAGGTTGATTTATGAGTTTTCTTT
GATTTCTGAATCTGAATTACAGATCTTTATTCTATTTGCGTAT

>trans_s_2984 XM_002867363|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

ATATCCGTTCTTCTTCTCTCCGCTATGGACGATCTCCGCCTTCGTTAGTTCTCGAAATCCTGAACCGATTGGC
GGATTCCGCCGATTAGCTCGGTGCCGAGTGCTTCCAAATCTCTCAATGTTCTCTCCCGTGACGTTAGGTCAG
TGAACCTCTTTTGTTCACTGGATCGATATCTCAAGTCTAGGGCTGCAGAGACGAAGTTGCTAGTAACGCCTTTC
AAGGTCATATTGAAGACTTTGGTGAATGATTTTTGGCTCTTGATTCTGTTTCAATTGGTGTAGAGAAATCACT
CGGACGGATTTCTGATGAGCACGACGATGTTGAGGATTGGTCTGATGATTTGTTCTTGACGGATGTTGGCTAC
GCTAAGGAATGGCTGCCGGCGATTGGGAAAAATTTGACGTCCTTGTCTATCGTTGATTTTTGGGTTCAATCTTG
CTGGAGGCAATCGAAGATTTTGGCGCTAATTACTTTGTGCTGTGAGTTCCGGCTATTGAATTTCTATATATATGT
ATATATTTTTGTCAATTTTCATCATATAACTGTTTATGTTTCATACAAGACTCTAGATAAAAGTAAACCCACGTCT
GAAAGACTGAAATTATATGACTTTTTTTGTCTTCCCTGAACCTTCCATAACATTTGAATTGGTATGCTAGCTG
GTTGATTCTGATCAACAAGAATATGCGACGAAGACACAGAAAAATATAAGGGACGGCTGTGAGGACGCAGA
GGGGAAATATGGGATATTGGGAATGATTAAGAATTTGTATAAAAGATTAAATTTAGTTCAACGAGATTGATTT
CATGGGGTCTTTTGGATAAAAACATATTTTATTTCATTCATAAAATATAC

>trans_s_2985 XM_002873862|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pale-green and chlorophyll B
reduced 2 (DVR), mRNA

ATTGTGAGCTTAAGCCATCATACTCATTTCCACTGGCGGTTCTACCTTAAAAACAATGTCCATTTGCTCCACCG
TCGGTGCCGGATTCAACCTTCATTCGCCGGCGAATACCATCAATTCAACCCGTTTATCTTCTCATTTCTGTCTATC
GGATTCCGGTGAGTTCATTTCTTTCTTTTCAAACCTTCTTTACGTTTATCACGAACCCCAAAATTCAGTAG
GAAAGGACGAAATCGCATTGTAGTTTCTTCGGCCCCAGTTGTTGAATCCACTAATTCTTCGTTTAGAGCCAAAA
ACCCTAAAGATACTAATGTTTTGGTAGTGGGTTCTACTGGGTATATCGGGAATTTTGTGGTTAAGGAGCTGGT
TAGTAGAGGGTTCAATGTCATTGCCATTGCTAGGGAGAAGAGTGGAATTAGAGGTAGAAACAGTAAGGAAC
GAACATCTGATCAGTTGAAAGGAGCTAATGTTTTGCTTTTCAGATGTGTCCCATTGGATGTTTTGGAGAAATCT
TTAGGGGATCTGGATGTGCCTATTGATGTTGTGGTTTCTTGCCTTGCTAGCCGAAGTGGTGGCATAAAGGATT
CTTGGAATTTGATTATGAGGCTACAAAGAACAGTTTAGCGGCTGGAAGAAATCGTGGGGCTTCTCATTTTGT
GTTGCTTTCTGCAATTTGTGTGCAGAAACCTTCTTGAATCCAACGTGCTAAGCTCAAATTTGAGGCTGAGC
TAATGGAAGCAGCTAAAGAAGATAGTGGATTTACATACAGCATTGTTAGACCAACTGCTTTCTTTAAGAGCTT
AGGAGGTCAAGTTGAGTGGGTGAAAGATGGTAAGCCATATGTGATGTTTG

>trans_s_2986 Novel Gene

GAGTAGATGAAAATAGTGGAGAAGTGGGTAGAGAAAATTCTGAAATTCTCATTAAAAGGTTATCTCGGACTT
TAAGCAATTTGAATCAAAATAGTGAGGCTGTTGAAGACGAAGGACAGGGACTAAGAAGGTCGGTTTCTATGG
ATTCAGTTTCAGCAATGGCTATTTATCAAGTCACGACCAAAATACAAATTCCAGAAGAAGGGTGTTCTGTCAAA
TGGAACATTAATGGAAGTGAAGGATTCAGTTTCTTCTAAAAATCTTGGAATCAGAGCCTGTATAATCTGGTG
AAGAGTATTTCAATTTGGGCATTCTATGCAGAAAGGAGGGATTTCAATAAAAAGATTGAGTTGAGGAAGAAGG
AAGTTACAATGGGCCAGACATTACAGAAGCCAGAGCTCGGTCCTTCCGATGTGAGAGAGGAAGAAATCTTAA
AAATGGCTGGGAAAATCAACATCTTCTCTCTAGAGTTTCAAGAAGCTGTTCTGTTTTTGTGTATGTGTATGAA
GCTACAGGAACTCTTAGGCTGTTTCTGTTCTGTTCTGTTTGGGGTTCTTAAGGTAGTTTACGAATAGAATCAA
TGAAGAAGAAGGCTCATGATTTTGAGTGAATTATGGATGACTGAAGTTGGGTGTTACTGTTAATTAATAGAAA
CAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAACAACAAATTTTGGCTATACTTCCCTACACATTATTCTACTTCTGT
ACATGTAACATATCTCTACTTCAACCAGTAATTTATACAATAAGATTAAGTGACTATGAGATTAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2987 X91955|A.thaliana mRNA for 30S ribosomal protein S13

AATCCAAGTTTGTGTTTCGTAATGTGCTGATCGACAAGTTGGAACAGAGGACATCATGGCGCAAACCTTTAGCAA
TCCCACTGGCTCCTTCACTCTCCCTTATCTGCAATTCTCGCAACTCCAATCCTCTATCTAACACTCTCTCCTTCCCC
ATTTCAAACCCTCAGGTTTCGTGGTCTTCAAATCAAGTGTGTACGTGTTGGAGGAGTTGAGATACCGAACAACA
AGCGAGTTCAATACTCCCTTCAATATATACACGGTATCGGTCGCAACAATGCTAAGAAAATACTTTTTGATCTA
AACCTGGAGAATAAGATAACCAAGGACTTATCTGAGGAAGAACTAAATCTGTAAGAGATGAAGTTTCCAAG
TACATGATTGAAGGAGATCTGAGGCGTTTCAATGCACTTGCCATAAGGAGATTGAAAGAAATTCAGTGTTACC
GAGGGATTTCGACACATTCAGGGGTTGCCTTGCAAGGGCAGCGAACGAAAAACAACCTGCAGAACCTTGAAG
GGTAAGAAGGTTGCTATTGCAGGCAAGAAGAAGGCTCCTCGTTGATGTCCTTACGATTGAACCGAGTAAATCT
CTTTTAAACCTTTGAGATATATTCTTTTAACTCTGGAATTGCGTCTAATTCCTCATGGGAATATAGTTTCTTG
CAAACACCCTGTTATGTTATTGTTGCGCCATATTCTACTTTACAGATGTCCTCACCTTCTTTGACGAATGCTCAA
TGTTCCGTAGATGAGTGGTGTTATCTTAACTGATCATTTAGTTCTTTATGCAACTTAGCAATAATTAAGTATG
GATACAAAGTTTATACTGCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2988 XM_002874527|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase/ protein binding protein, mRNA

TGTGCATTTATCCTCTAAAGCCGTCGTAAATATCAGACTTGGCATTGCTTTTACTACACGCCTGCTCATTCCCCG
AAACTCTTGAGAATAAAAAGATCGAGGACGTCCTCGTCTTATTCGATGTCTTCGAACAAAGAAACAAGTAGCA
AGCACTGCAGACATTGCAAGAAGAGAAATAAAGGAGATAGCCATGATGGACCATGCAGAGTTTTCAAAGCTT
GGAATGATCCATATCTCAACGTTAGCCAAGCCTGCATACTTCTTCAATGTCTCGCCAGATGTTTTAGTAACAAA
TACAGCATGTATTCTAATACCAGCCGAGCTCCCTGCCATCGCAATTAAGCCACCATCTTCATTGTCATAAATGAT
TGCAGCTTTAAATCCAGCTACTTGGGCTCTCCTCACTTTATCCTCAAAGCTACATCCTCCTCTAACTATAAGCGC
AAATGGTGAAGTGGAGTTTACAGGCACCACAACCTTTATTTTCCAATGTGCGAGCAAGCATCAAGAGGTTTTGCC
AGATATAACACCCCAGGTTCTCCTGAACTTTCTATTGAAGGAGCGAAATTAGCTTCAATGGAGTCGAAAGAAA
GAGTAATGTTGGCCCCAATCAATACGACGTTAGCTGCAGAGCCGGAAGAAAGAACCAAAAGCAGTGAAAACA
ATAAAGCGAGACGTGGATTCATAGGAGTCAACAACAAGAAAGCCATGGACCGAAAAACCTAATGAGTAAAA
GAGAAAAGGAAGATGAGAAACAAAGATTGAAAGGAAGAAGAGAGAAGAGGATTAGGGTTTATAAAATATG
AATTAACATCAGCTTCCATTTCTCAGAAGGAAAAATCTCCTTGGTTTCGTTGATT

>trans_s_2989 XM_002882379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L22-2, mRNA

AAACTCAAAACCCTAAATTCAGCGCCGATTCTTCAATACATATCTGCAGGAAGTTAGGGCAAAGCAGAAGCAA
AAATGAGCCGTGGAGCAGCCGCATCCGGTGGCCCTAAGGGGAAGAAGAAGGGTGTGACCTTCGTTATCGATT
GCGCGAAGCCAGTTGAGGACAAGATCATGGACATCGCCTCATTGGAGAAATTTCTTCTCGAGAGGATCAAGG
TCGGCGGTAAAGCTGGAGCACTTGGTGACTCTGTTACTGTCACTAGGGACAAGAACAAGATCACCGTCAACTC
CGACAGCAATTTCTCAAGAGGTATCTCAAATATTTGACTAAGAAGTATTTGAAGAAACACAATGTTAGAGAT
TGGCTTCGGGTATTGCTTCGAACAAGGACCGCAATGTCTATGAATTGAGATACTTCAACATTGCCGAGAATG
AGGGTGAGGAAGAAGACTGAAGTTGAAGTCTTTATATTTTGAAGCATTGTTGCGAGTAGGATTAGCTATATT
TCCATACCTTATCTCGAAGCGTTTTCCATATAGAACATATAGCAAGGGGATTGCCTGAGTTCTGAGATGATGCA
ACTCTTGTTTATTCTGAAGTTTAAATATCTATAAATTTTGTCTCTGAGCTCTCTTCTTTTGCTTGATTGAAGAT
AATTTTCTTACTATGAGAGTATTGGTCAGTTTGTACTTTGTTTGAGGAATTGGAATTGGCAGTTCTTCTGAGAA
AGTTGAAACTGTCTGGTACTGTTTGCAGGAAGAGTTTGCAACCTAATGGTTTACTTCAATGGAGGACATCAAA
TAACTTAAATCTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2990 HM013972|Helianthus annuus acyl carrier protein 3 (ACP3) mRNA, complete cds

ACAGTCTTCGTGTTAGTTCTTCGTTGTCTCCAAATTCTCATTTTATTTAACTTCTCTTCCCTTTCCCTTTCAATTCC
ATTTCTCTTTTCAAATCTCAGATCTCTTTGTTTATTCTTACTTACAAAAATGTTCTCCATCGCCGGATCTTCGGTTT
CCATGCCTTCTCTATCAGCTTCGTTCAATCAAAGCCAGGTGACTAGCGGCCAAATCTCAGGTTTGAAATTAGTT
CCCGCGCCTTTAGGCAAGGCCATTTTCCCTTGCGAAGGAACTACAGGCAGGGAAGCCTTCAGGTTTGCTGTG
CGGCAAAACCAGAGACAGTGAACAAGGTGGTTGAAATTGTGAGGAAACAGCTAGCTTTAAATGAAGATTCTA
AGGTCGATGGAGAATCTAAGTTTATTGACCTCGGTGCTGATTCTCTTGATACGGTTGAGATAGTGATGGGACT
TGAAGAGGAATTTAAGATCAGCGTTGAGGAAGAGAGTGCCCAAAGCATCACTACCGTCCAGGAGGCTGCCG
ACCTCATTGAGGACCTCATTTCTAAGGATTCTGCCTAAATTTTAATCATTTTACGTTTCTATTTTAGATCTTTCTC
TCTCTGGATTTTGCCTTAGCTGCTTCCACCACCTTCATCACTTTTTTCTTTTTTTTTTCTTTTCCCTTTAAAACT
CCCTCTATATCTACAAACGTTCTCTGCGTGCCCTCATTCTTCACTCTTTAACTTGTGAGAAATTTGTTTCACCTT
TTTTTTTTTTGGTTGTTATTTATTTTCTTGATCATTGTTATATTATTAACAAGTTTCTAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2991 BT024891|Arabidopsis thaliana At3g14150 mRNA, complete cds

TATCTTCAGTAAACACCCAATTGAACATGTTTTCTGTTCCATAAACAAAGTTGAATTATAGTTCCCGACTTC
AATCGGCCAGCCCTGCTTTTTCTGGTTAAATGTCAACTGAACCAGTGAATGTGGATGAGTTCGAAGAATTGG

CTAGGCAGGCACTTCCAAGAATGTATTACGATTACATTGCAGGAGGAGCAGAGGACCAGCACACACTTAGGC
AGAACATACAAGCTTTCTGTAGAATCACGATACAACCTCGAATTCTTGTTGACGTGAGTAAAATTGATATGTCA
ACAACGATCTTGGGCTAGCGTATCTCTGCACCTATTATGGTTGCTCCAACCGGTTCTCATAAGTTGGCATACCA
TGAAGGAGAGTTAGCCACAGCCAGAGCGGCTGCGGCCGCAAAAACATAATGGTTCTATCCCTTGCATCCTCC
TACTCAATGGAGGAAGTTGCCTCTAGCTGCAATGCTATCCGCTTCTTTCAATTATATGTTTTCAAACGGCGTGA
TGACTCGACTCTGCTAGTACAAAGAGCTGAGAGATTTGGATATAAGGCCATTGCTCTGACTGCTGATACGCCT
CGACTTGGTAGAAGGGGAGGCTGATATAAAGAACAAGATGATTGCACCACCACAGAAGAATCTTGAAGGCTTG
TTGTCTGTTAAAGTTGAAGTTGAGTCTGATCAAGGTTCTGTTATTAGAGTCTTTTGTTAATGAGGCCTTTGACCC
ATCCCTTTGTTGGAAAGATGTAGCATGGTTGAAATCAATCACTAGCTTGCCAATTCTGATCAAGGGAATTCTCA
CACATGAAGATGCAATTAANGCTGTGGAAGTAGGTGTTGATGGAATTATTGTC

>trans_s_2992 NM_202447|Arabidopsis thaliana 2-dehydro-3-deoxyphosphooctonate aldolase /
phospho-2-dehydro-3-deoxyoctonate aldolase / 3-deoxy-D-manno-octulosonic acid 8-ph
(AT1G79500) mRNA, complete cds

ACAATCGTCCAAGATCTAGACCACCTTTTTCCATTGAATTGGTTAGAAGTAATTGTCTGAAGTCTTTAACTGCAT
ATAAGTAAACGCCATGGAATCTTCGCTGCTTTCAACCAGCTCCGGGCGGCTGAGCCCTTTTTCTATTGGCTG
GTCCAAACGTGATTGAATCAGAGGAGCATATATTTAGGATGGCCAAGCACATCAAGAATATATCATCGAAGTT
TGGTTTGCCACTGGTTTTCAAGTCCAGCTTTGATAAAGCTAACCGTACATCTGCAAAATCCTTCGTGGTCCAG
GCATGGTTGAAGGCTTGAAGATACTTGAGAAGGTTAACTAGCATATGATATACCCATAGTGAAGTGTGCA
TGAATCCATACAGTGTGAAGCAGTTGGCAAAGTTGCAGATATTATTCAGATTCCTGCGTTTCTGTGTCGACAG
ACTGATCTTCTAGTTGCAGCAGCCAAGACTGGGAGAATTATAAATATTAAGAAAGGCCAGTTTTGTGCTCCTTC
TGTAATGACAAATTCTGCTGAAAAGATCAGAATGGCTGGAAATCAAATGTGATGGTTTGTGAGAGGGGAAC
TATGTTTGGTTATAATGATTTAATTGTTGATCCTCGGAACCTTGAGTGGATGAGAGAGGGCAAACCTGCCCTGTT
GTGGCCGACATTACGCATTCATTGCAACAACCTGCCGGGAGACAGTGGGGGAAAGGGAAGGTGTCGCTAGT
GGGTGGCCTACGTGAACATAACCATGTATAGCGAGGACAGCAGTGGCTGTTGGAGTAGATGGGAATCCAT
GGGAGTACACGACGACCTCTGAACGCTCCAGTTGATGGTCCACACAGTGGCCTTTG

>trans_s_2993 NM_001049068|Oryza sativa Japonica Group Os01g0237100 (Os01g0237100)
mRNA, complete cds

ATAGACAACCCAAATATAATCAAACCCATTCATCTTCTCAACTATTCACCACTCCCCTGTCGTTGTTTCCAT
AAAAATCTGCTCCACCACCGCCACTAACAACGCCCTAAACCACCACAATTGCAAAATCTCACTACCCCATCAA
CCACTTCAATCTCTAATCTCTCCCATTCCTTCAACAACATGGCTTTTGGGATTGTTTCCATGACCATCCTTCTCT
AATTCCACTTCAAGTTACAGTTCCCGCTTATCCTACCGTCGGAGTCGTCCTTTACTACTTAATGTCTCCTGTGG
GAATTCTGTTGTTCACTGCTCAAATTTCACTCGAGATTTGTCTCTAGCTACCGAGAAGCTTGGAATGGTGATG
CTATGACTGGAGGAGCGTTTGATTTTAGAAAAGCCACAACGTCGCTAACTGAAAGGTCAATCTCTACGTCAAA
GAAGGTTACTCTTGTAAGGCATGGACTTAGCACTTGGAATGAAGAAAGTAAAGTACAGGGAAGCTCGGACTT
ATCTGTCTTAACACAAACAGGGGTGCAGCAAGCAGAAAAATGCAGAAGAGCCTTGCCAAACATAAATTTTGA
TAGATGTTTCGCAAGTCCAATATCACGCGCCAAGTCAACTGCTGAAGTTCTATGGCAAGGAAGAGAAGAAGA
ACTGGTTTTTCTTGATTCTCTGAAGGAAGCCCATCTGTTTTCTCGAAGGAATGAAAAATGTGGATGCTAAGA
AGATTTATCCAAAGGAGTACACAACATGGCGAGAAGATCCTGCTGAATTTGCGTAAATGGCGTCTACCTCT
TCGAAAAATTTGGGGAACAGCAAGAGAGGCTTGGAAGAAATCTTATTAT

>trans_s_2994 HM122721|Malus x domestica WRKY domain class transcription factor (WRKY2)
mRNA, complete cds

TGTGCTTCTTCATGATGATAGCGTATACCGAATTGAATGTTTCATGTAGTCCAGGTCATCTATCCATTTCAGCTAAT
GGAATTTGGCAATGATAAGCCTGAAGTGACGGCTGCTTCAATGGATCCTAATTTCTCAGCTTACCTGCACAAT
GACTTCCTCTCCATTCTCCGGATGACAAAGAGCAGTCTGGAATCTTCTTACACAGAAATAAGTGCAAGCATGC
CTGCAGTGATGAAATTTCTGCTGCATGCGAGGCCATGGAAGGACTTAAGGTTGTTAATGGTCTGGAGTGTA
AATCACATGCAATTCATCAAAGGTCTCTACGTTTTAGATACAGAAGACTATTTGTTTCGCACAAAAGGCAGAA
GAAGAAGTTTGCATAGAAGTGGTTCGTGCCGTACCACCAGTCAAGGTCTTCAAATAGAAGCTCAAACAGAG
GACAACGATATCAACGATGGCTGTGCGAGTCTCATGTGCACATCCTATTACCTAACTGTTTCCAATGGCAGCATG
CGGGGGTCGAAAGAAGCTCAGGGAATGAAAGAACCGAATGTGCTCAGGGAATGAAAGAACCGACCGTGCCA
AAGAAAAAGAAAAAGAAAGAGAGAAAGAAAAAGGTGTGGTGAGATTAGCCATTATTTGTCTGTAATCAGAC
AATTACACCACAAAAGTATGGAAGTTGGATCCAGGCTTATAGATTGGTTGTGTCAGAATCTTGTAATAGAG
GTAATTTGTGATGTGGAAGTGAGAGGGAACCTACGGCACCTACAATTTTACATTTTCATTCTTTCTTGTTCCTC
AATAAACTGTATTTGTATACAGAAGATGGTTGCGTATTTTCATCTATAATTAATTTGTT

>trans_s_2995 AB026823|Cucumis sativus CslAA3 mRNA for Aux/IAA protein, complete cds

AAGCATTTCCATTTCTTCTTCCCACTTTCTCTCTCCCCACTTTCTGTTTGTTCCTCGAGAAAATACACAAATC
CATCGGAAAATTCAACAAACCCATTTTCAGAGAAGCAAAAATTAACAATGGCCTTTGAGAAAGATCTCAACTT
GGAAGCCACCGAGCTCCGATTGGGTCTCCCGGGAACCTCACCTGACGATCAATCTAATTCTCCCATCAACCGA
ACCAACTCCAACAAAAGAGCTTTGCCTTCCGACGACCAAAATCCCTTGGAATCTCGCCGAGAAATTAAGTCCGA
TCCCTCAAATGCACCCAAGAAAACACCCCTCCCAAGGCACAAGTTGTTGGGTGGCCGCCGGTGAGATCA
TTTCGAAAGAATTGTTTACAAGCAAAGAAAAAGAGGAGGCGGCGGCGCGGAATGTTCAAAAAGTGAG
CATGGATGGAGCTCCATTTCTAAGGAAAGTTGATCTCAAGATCTATCAAGGATATCCTGACCTTCTTCAAGCTT
TGGAGAACATGTTCAAATTTCTTGGCAAGTTTTGTGAGAGAGAAGGGTATAATGGGTGCGAATTTGTTCC
AACGTATGAAGATAAAGATGGCGACTGGATGCTCGTCGCGCATGTTCCATGGGAAATGTTTCATGAGCTCATG
CAAGAAGCTAAGGATTATGAAAGGATCAGAAGCAAAAGGTTTAGGCTGTGGATCAGTGTGAAATAAAGAAC
AGAAAAAAAATGAAAGTGAAAAAGGGATTAGAGAGCACCCCAAATTGCTCTCTTTTTTTATAAAGATCATCG
AAAAAGTCGTGAAAGTTCATCACAAACCGCCGTGGAATTTGCGGCGGAGTGCAACCAC

>trans_s_2996 NM_001054465|Oryza sativa Japonica Group Os02g0717200 (Os02g0717200)
mRNA, complete cds

TCACTCTCTTCTTCTGATTCCACCAATACCCATAGAGTTTTTCTGTGTTTTTGTGAACCTTCTTTCTTTGGTTCTT
CTTCATTTTCAGTGCTTTTACTCTAATGGGTCTTTCCAATGATTCATATGGGCTTCGTTTCTTATCAGTGGTCAT
CTGTTGCTTGATAATTTTGTCTTGGAGTCTTAAAAGAGGATGGGTAGAGGTAGAGGAAAGGGGAGGAAGT
TAACCGTCACAAATCATGACGATGCTGGAAGTGGTGAGGAAGAGAAGATTCTGCGCAAAAGCGAAGGGGA
AGGCCACAGAAGCCATTGAAGGATGAGATAGATGAGGAAGAAGCTGAAAAGATCGAAGATGAAGATAGCG
AGAATCTGAAAGGCAGTGATATTGTGAGCAAGGAGATGAAAAACCCACCTGCAGCAGAAAAATGGGAAAAGA
AGGAGAAGAACTCACAAGTGAAAGAAAAAACTCGATCCAGTGAAAGACGAAAATGGGGATGGAACAAGATC
AAGCACTGATGAGTCAACGAGATCAATGGATTCGTCACAATGGAAGCAGGAGAAAAAGCAAGCCCCGTGCG
AGCTGCTGAAGCAGGCGTTAGCTGCAAGTGAAACAAGTAAAAGAATATGGTTTTCTTACTGAAGGGGGGAGC
CAGATAAAATTTTCAAGGTAGAAAATGAGGCATAGTGATCTTCTAGTCATAGATTACCATATTTTCTGTTTCTC
AATCTCATCTCTATAACTATTTTCCATCACCATTCTTTTGTCTATTCTTCTAAAAGAAATTGTTGAATTCAGGATTC
ACTCTGCTGGTTTTAATATTCTTTTGGCTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2997 XM_002874026|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger (ZPR1-type) family
protein, mRNA

CATGGCAACTACCTGTGATGCTTGTGGTTACCGTAGTTCTGAGCTGAAGCCTGGTGGGCGAATCCCTGAAAAA
GGAAAGATAATTAGTCTATGTGTGAAGAATGTTAAAGATCTCAGTCGAGATGTAATAAAGTCAGATACTGCAA
GTGTAAAAGTTCCAGATCTTGAGTTGGAGCTGACTAGTGGTACTCTTGGGGGAATTGTTACAACTGTTGAAGG
CTTAATCACAAAGATAAGTGAAAGTCTTGAGAGAGTACACGGTTTTACTTTTGGAGACAGTCTTGATGAAAAT
AAAAGAAACAAGTGGTTGGACTTCAAAAACAAAGACTAACCAAGCTCTTGAGTTTGGAGCAGCCTTGGACTCTAA
TCCTTGATGATGCCTTAGCAAATTCGTTTATTGCACCAGTGACCGATGATATGAAAGATGACCATCAGTTAACA
TTTGAGGAGTACGAGCGTTCGTGGGAACAAAACGAGGAACCTTGGTTTGAACGACATGGACACCTCAGCTGCT
GATGCTGCTTATGAGTGCAACTAAAAAATGCTTCTGCATTAGACAAGATAGAAAGCGTCGAACATGTGGTAG
AGTTTTCAAGTATCTACAGAGGTTGATTACTGCGGTGTAGGTTTTGACTTTGTAACTTTATACAAATCAAATG
TTTCATCCATTGTTGTATGTTATATTTATTCCTAATGCAAGTGATACACAATTTAGGTCAGTTTCAGTGTGTTTT
ACTCCATAAATGTTTAGAGCTGAATAAACTCAAAGTATGAAAGATTCTCTTTGGCTTGATTTTTGACCATTAT
ATATTCCTATATTAATTTAATTTCACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_2998 AF243368|Glycine max glutathione S-transferase GST 13 mRNA, complete cds

TCTCCAATCCTTTTCATTTAGTGAAAGAAAACAAGAACAATTACATGGCCGGAGAAAATCAGGAAGTGCAAG
TTTTTGGTTTCCGATTAGGTCCGTATAGTCTGAGAGTGGAATTGGCTCTCAAACCTCAAAGGCGTCGTTTACAA
CATATTGACGAAGATTGCTCAACAAAAAGAGCGATTGTTGGTGAAATACAACCCAGTTTACAAGAAGGTTTC
CTGTTCTTGTTTCATCATGGAAAACCCATTTAGAGTCTCTTGTAATTCCTGAATACATCGAAGAACTTGGACG
CAAAATTATACCATCTTGCTAAAGATCCCTATCAAAGAGCTCTCGCCAGATTCTGGGCTAAGTATATTGATGA
GAAGGTTGTACCTGCAGTACAAAAAGTTGCAAGAAGCCAAGAAGACGAAAGAGAGAAGAGCATAGAAGACG
CACAGGCGGCACCTGAACCACTTGAGGAAGAAGTTAAAAACAAGTTGTTCTTTGGAGGAGACACAATTGGAT
TTGTTGACATTGCAGGCCTAGTTTTAGCTCGTTGGATTCTGCCACCGAAGAAGCCGTAGGCTTTGAGCTTTTA
TCAGCCCACAAGTTTCAAATCTAACTAAATGGAGTCAAGATTTTGTGAACCACAGTGTTGCAAAGGAAGTTT
GCCTGAAAAAGATGTTCTAGTTGCCTTCTGAAGAATGTTGTGTTTAGTACAAAAAACTAGGACATGATGATA
ATGATCAATGCGAGTGAAGAGGAGTTGTAGTATGAGTTTGGATTTGTAGTCCTTTTGATTATGTTTATTGTAT
AACTTTCTATTGGGAGTGTGAGAGTTGTTTTTTTCCAAAATTTGATTTATATC

>trans_s_2999 AF370205|Arabidopsis thaliana At5g17640 mRNA sequence

GAAGCCAGTCATTCTTTTAATGGGTGGATAGGCATTGGCAAAAGCAAGAATGAGAATGGAAGACATGGAGC
AGAGCTTCATTTGAGAGTTAACTAGATCCTGATCCAAGATATGTTTTTCAGTTCCAAGATGTTACTAGATCAA
GCCCCCAAATCGTCCAGCTTCAAGGCTCAATCAAGCAGCCGATCTTCAGTTGCAAATTTAGTCGAGACAGGGT
ATCCCAGGCGGATTCTTGAGCAACTATTGGTCAGGTCTTGGTGATGGCTCGGATCTTGAGGTGAGCGAAG
AGAAAGAAAAGGCTGGAAGGTGAAGATACATGATCTTCTGACTCGGCTGTTGCAGCAGCCTTCATAACTACT
CCCTTTGTGCCATCAACAGGTTGCGATTGGGTGCCAGGTCAAACCCGGGTCTGGCTGATTGTTGTCGTCCTG
ATGTTTGCATACCTGAAAGTTGGCAGCCATGGGGAAAGCTCGAGGCGTGGCGCGAGCGTGGGATTAGAGAC
ACTGTCTGCTGTCGCTTTACCTTCTCTCTGAAGCCCAAGAGGGAGGTGAGCTTCTCATGTCTGAGATCCATAT
CAATGCCGAGAAAGGCGGGGAATTCTTTATAGACACCGACAAACAATTGCGAGCAGCAACAAGTCCAATACC
GAGTCCACAGAGCAGTGGAGACTTTGCAGCATTAGGCCAAGTGGTTGGAGGCTTTGTCATGAGTTGCAGAGT
ACAAGGGGGGAAGGAAGAACCAGTAAGCCAACGGTTCAACTCGCAATGCGACACGTGACATGTATAGAAGAT
GCTGCTATTTTCATGGCGCTTGCAGCTGCAGTTGATCTCAGCATTGAGGCATGTAGGCCCGTC

>trans_s_3000 FJ231521|Cucumis melo galactokinase mRNA, complete cds

ATACTAATAATAACATAAACTCTCTTTGTTGTGGATTTGTTTAAAGGGTTAGCCGAAATTTTAGGCAGGATTG
AAGATCGGAAAAGTTTTTGTATGAGTTTTTGATTCTTCATTTCTTCTTAAATTTGGATTCTATATCCATCTTACTT

>trans_s_3001 FJ708800|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

>trans_s_3002 AY045651|Arabidopsis thaliana AT4g17010/dl4535w mRNA, complete cds

>trans_s_3003_BT002661|Arabidopsis thaliana At3g07470/F2103_18 gene, complete cds

[illegible]

TAAATTCTCAATTGATTCTTCCACCGGCCGTTTCCATGTCTTCCTCGATCAACCCTGCAATGCCAAGTTCGAGAA
TGAGGTTCACTATGATTTCAACGTCTCTGGCAGGCTCTCCTACGGACAGATCGCTGAATTGGCTGGAATTCCT
CCCAAGAGCTCTTTCTTTGGTTTCCTGTTAAGGGAATTCGTGTCGATTTGTCCTCTTCTGGTGAATTCATTCG
ACGTCGGCGTTGTTGACAAGCAATTCTCTCTTCCCTCTTTGAGTCCCCCCTGATTGCACTGCAGCTGATCCGG
TTGATCAATCCTTCGCCTTCAATGCTGCCTCTCTTGATACGGATCGCCCTTTTCGACGAAGGAAGCACAGAAT
CTCCAGCTTGAAGACAGTGAACCTAAGGGCAACATCATAGATTAGCGATAAAGAAATGCTGCGGATTTTCCATG
GATTTTGTTCGAGAGAGTCTGGCTTCACTGGTCCGATAAACCGTAGATTTTCTTCTACTACTTGTGGATTGCTT
TTGTTATGTACAGTCTTTGTTTCCTCGTAGTCCTGTCTGATGGGGGTAAAAGAGGCATATTTGTTTTCGTATAG
GCTAATTTAGCCTCCAATCCCCTCAGTCTATACT

>trans_s_3004 NM_115970|Arabidopsis thaliana AtPP2-A13 (Arabidopsis thaliana phloem protein
2-A13); carbohydrate binding (AtPP2-A13) mRNA, complete cds

AAAAAGAAAAAAGCATTGCCATTATTGTCCATCATCTCTCCCTCTTAATTTCTCTCTACACCATTTACAAATA
CACAAACACACCCCTTCTAATTAATTAATCCCTCTTGATCCTCTTTATGGGGGCTTCCTTTGCCAAGGTCTCC
ACCAATCTCCACCTTCATCGTCTTCTACCTCTTCTCTAGAAGACATCCCCGAAAATTGTATTTCCATTGTCTTCA
TGTAATTGGACCTCCCGAGATCTGCAATCTTGCTTCTTAAACCATGCCTTTGCTCATCTTCTCCGCCGATTT
CGTTTGGGAATCCAACTCCCTTCTAATTATATCTTCTTGCTTCATCGAGTTCTTCAACTTCAACAATTGACCGCC
CACCTAAGAAGGAGATCTTCGCTACGCTTACTCGCCATCTCTATTGATCACGCCACTAAGGAGTTTTGGTT
GGATAAAAAATCTGGGGAAAAATTCATTTGATTTTCATCTAAGGCTTTGAAGATTACTGGGATTGATGATAGA
AGATATTGGAATTATATTCCAAGTGAATCAAGATGCTGATGGGTCTTAATTTTCAAAAAATATAATGGAA
GAATGGATCGTCGATGATTATTATATTCTTTAGAAAATTATTTTAAATTAATATCTTTTTTTGTTCTTATATT
TTAAATTTTATTGAATTTTGGACCACATATTTTAAATTAGATATATTATTTTAGGTAATGAAAAATTAATAATA
TAATAAAATATCACAATGGGAGGGACCAACAAATTATTATCTTGAAATATTTTCATCCATTTGAAATAGCCA
TTTTTGGTAAAAAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT

>trans_s_3005 NM_116156|Arabidopsis thaliana APG3 (ALBINO AND PALE GREEN); translation
release factor/ translation release factor, codon specific (APG3) mRNA, complete cds

CCGACGATTCCGAGCTCTTTCTTCTCCGCCGCCACACAGTGGCTTCTTCAAAAGATGCTCTCTGGAAGTGA
ACGCTTTGCACCTCCCTCTAGAGCTTCAACTCTTATTTGCATGGCGGAACCTTATTTGATCGTGAAGCTGGAAT
CTGCGGAGAAGACGTGGAAAGAATTATCGGTAAAGCTGGCTGATCCAGATGTTGTCTCAAACCCACAGAGT
ATCAAAAAGTCTCAATCAATGTCAGAACTGATGAGGTGGTATCAACTTTCAGAAAATTCAAGGAATGTGA
AAGGCAGTTAGAGGAGGCCAAAGCCTTATCAAAAGAGAGTGGGAACGACGAGGATATGGTAGAGATGATTG
CTTTAGAAATCAGTTCTTTATCCAGTGAGCTCAAAGATATCGAAGAGAAGCTTAAGGTGATGTTGCTTCCATCT
GATCCTCTTGATGCAAGAAATATTATGCTTGAAGTCCGGGCAGGTACAGGTGGTATGAGCTGGAATCTGG
GCTGGTATCTGTAGGTCCGTATGTACCAGAAATACAGCGAGCGGAATTCTTGGAAGTTTTCCCTGTTTCA
AGTTCTGAGGCTGAAAAAGGTGGATACAAAACCTTATGTGTTGGAAATCAAAGGACAACGTGTCTACAGTAA
TTGAAATATGAGTCTGGTGTTACCGGGTTCAACGTGTTCTCAAACCGAAACACAGGGCCGTGTGCATACTT
CTACTGCTACAGTCGCCATCATGCCAGAGATGAAGTTGAAATAGTGATTGACCCAAAGGACATTGAACTAACT
ACTGCAAGATCTGGGGGCGCAGGAGGGCAGAATGTCAACAAGGTGGAGACAGNCATTGA

>trans_s_3006 AY197496|Gossypium hirsutum ADP-ribosylation factor 1 (ARF1) mRNA, complete
cds

TCCTTTTCTGTCTGTCTGTTGATTCTCGGTGGTGCTTGTTGAAGGCTGTGACAGAGAATGGGGCTTACGTTTACA
AAGCTTTTCAGTCGGCTTTTTGCCAAGAAGGAAATGCGAATTCTGATGGTTGGTCTTGATGCGGCTGGTAAGA

CAACTATCCTCTACAAGCTCAAGCTTGGTGAGATCGTCACAACAATCCCCACCATTGGGTTTAATGTTGAAACT
GTAGAGTACAAAAACATCAGCTTCACAGTTTGGGATGTTGGGGGTCAAGACAAGATTCGTCCCTTGTGGAGG
CACTACTTCCAGAACACACAGGGTCTCACGCCACCACCAGCAATGACAGAGATCGAGTTGTTGAGGCCAGG
GATGAGTTGCACAGGATGTTGAATGAGGATGAGCTGCGAGATGCAGTTCTGCTTGTGTTTGCTAACAAGCAA
GATCTTCTAATGAATGAATGCTGCTGAGATCACCGACAAGCTTGGTCTCCACTCTCTCCGCCAGCGTCACTG
GTACATCCAGAGCACTTGCGCCACCTCCGGAGAGGGTCTTTATGAGGGGTTGGATTGGCTCTCCAACAACATT
GCTAACAAGGCATAAGGATATCGAACAGTTTGCTTCTGAGACTCGCAGTTCTGGATGCAGGGTGAATATTATC
TAATTTTTTTCGTGGGGCACTTTATAAAAGAGGTTATGGTTTTTCTTTTTTTTTTCTTTTCTTTTCTGTTTA
CGGGAGCTTTTAGCAAAAACCTATTTGTCATTATACTGTAATATCAGAATGGTTAGCCTTGGTTATCGTGTTTTG
GGCTCTTTTACGGGGCTTTTACTCGCTGTTCTTTCTTTCGGTTTCTAGCT

>trans_s_3007 NM_102437|Arabidopsis thaliana structural constituent of ribosome (AT1G26740)
mRNA, complete cds

AGTCTGATTTCCACCGCCGGTATACTGAAATCAGCGTTGGCACTTGGTTTGCTAGCAGCTATGGCGTTGAGGA
TTATGAGGGCGCTCGAGGGTCAGACGGGTTCAATGCTAGGGCTTAAAGCGATGGCTTATGGTTTACCCCATTC
TTCGCATGGGGTCATGGGCCCTAAGGATTCCTCCGCCCCCGCTTGTTCTTCTGAGTTCAACCAGGAGTCTGATG
AAGATAGAATCAACAACGTCAGTATTGTGGGATTTGGTTTCCCTAGCTTATATTTTTCCGGGTCTATGGAGCTC
ATGGCTGTTTCTAAGAAGAAGGTTTCTCCACATAAAAGGCGCATAAGAAATGCTCCAAGGCTCTAAACCTA
TTCCAGTTATAATTCGGTGCAAGGGTTGTGGTAAAGTGAAGCTGCCTCACTACTATTGTTGCAGTGGAAGACC
AGGGGAACAGGACAATTCAGCCACATGAGGCTATGGAGAGTAGAAAGGGCGGTGAGAGCAATGTCTTCAGT
TATAGAATCCTCCCATACCTGGGAGCTATAATTTCTTTTCTGATTTCTTTTATTAGATTCTTGAAGTTTCGG
TTCTTCTGCAGATTGTATAACAGATTGTTAGATTTCAACATGTTATAACCATTAACCTATTGAGCCATATCCTTGC
TTTGTGCTATCCAGCAGACTTCAATTTTTCCAAGGTCTGAAATGCACCCTTTAGCATATGTTTTCTCTCTTAA
TGCGATCCTTCTTTTAAAGGATTATTGGATCATGATAAATAGATATATCTCGATCTATCGCGGTTTACTGTAAAT
AAACAGTGATATTTTCGCTATTTTTTACTATATTTGAAATAACATTTT

>trans_s_3008 NM_001064451|Oryza sativa Japonica Group Os06g0571400 (Os06g0571400)
mRNA, complete cds

CTCCCTCAGCCTTCACTCTTGCTCTCGGAAGAACGCTCGCCTCTTTACAGATCTGATTTTTGAGCGAAACGTTTT
TCTTCCGCGAAGCGATATGGCTCTGGTCTGCATTCTTGACTCCTAGCAAAAATGTTTACAAGGTTTTAATAG
CTGCGGAATACAATGGTGTCAAAGTTGACCTTGCCCCAGACTTCACCATGGGTGTAAGCAATAAGAGTCCTGA
ATTTCTTAAATGAATCCTATTGGGAAGGTTCTTCTGCAAAACCCGATGGTGCTATCTTTGAGAGCAATG
CTATTACCCGCTATGTTGCTCGCTTGAAGGACAGCGGTTTATATGGCTCTTCTCCAATTGATTATGGACATATT
GAGCAATGGATTGATTTCTTCTCGATGGAAATTGATAGTCATATTTACAGCGTCTGGCGCCTAGATATGGATA
TGGTGTTTACTATGCTCCTGCAGAAGAAGCCGCGAACGCTGCCCTAAAACGATCTCTTGGTGCTTTGAACTCCT
ACCTTGCTTCAAACACATTCCTTGTGGACACTCTGTGACACTGGCTGATATCGTTTTGACTTGCAATCTCTATT
ATGGATTCACCTATATTTGCCTAAGAGCTTTACTTCTGCCTTCCCTCATGTTGAGAGGTACTTCTGGACATTGG
TCAATCAACCAAATTTCAAAAAGATAATTGGTGAGGTTAAGCAGACGGATGCTGTCCCACCAGTGAAAACCTCC
TGAAGAGGCTGCAGCAGCTGCCAAAGCAAAGGCTGAGCCCAAGAAACAAGAAGAGAAGCCTGCAGCACCTG
CTGAGGAAGAGGCGCCAAAGCCCAAGCCAAAAACCCCTTGACTTGC

>trans_s_3009 AF370475|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F2103.22) mRNA, complete cds

CAAAAAAAGCAAACCCAAAGCTATCTAGAAAAGCACAAACCCAAAGCTAGCAAAAGAAGCACAAACCCCAAA
CGCATCTCTTCTTCTCCTTTTGTCTTCTTCTCCAAAATCCCAATACAATTCCTCCAAGTAATCCGATACCCATT

>trans_s_3010 NM_202588|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein (AT3G15010) mRNA, complete cds

>trans_s_3011 XM_002299499|Populus trichocarpa glutathione peroxidase (PtrcGpx5), mRNA

>trans_s_3012_BT025520|Arabidopsis thaliana At5g52780 mRNA, complete cds

ACAAACAAACATACACAAATTAGAAACGGAATCAAAACCTAAGTCGCCATGAAATCCTTTGGGTGTTCTTTC
GCCAGGCTCTCCTCCTTCCAAGCCTCCGCCACGGAATCAAAGAACCGTAATAATCAACGACTCAACAATCACA
AAGAATCTCAGCAATTTACAACAACATCCAGAGGCCAAGTCCAAGTAAACGCCAAAGGCTTCACTGGTCTC

>trans_s_3013 NM_111068|Arabidopsis thaliana AK3 (ASPARTATE KINASE 3); aspartate kinase (AK3) mRNA, complete cds

>trans_s_3014 FJ906847|Jatropha curcas glutathione S-transferase omega mRNA, complete cds

>trans_s_3015 AF124161|Nicotiana plumbaginifolia molybdopterin synthase sulphurylase (cnx5)
mRNA, partial cds

ATCATCTTCTTCTTCTTCTTCATCTTGTAGCCGCGACCCTTGCTCAATTCTTCTCCGGCGGGCTCTTCCAACCTACG
TCGACGGCCACGATTCTCTGGCACGACGTTAGTACTCGACCACATAGATAGACGCCGAGCATTCTTCTCAGG
TGACCCACGAATCTGACTTGTATCGCGAACACCACTTCGAACAAGCTTCATAGCAGCTTTTCTTACCTGTTTGAC

CAGCTTCGGCATTGACCCACAGTCTGTTTCCCTTCAAATCAATTTACCCATATCGTTTTAAGGCCCAGCTCTGCA
AGTTCAAACTTTTTTGGACTCCCACCAGCAAGGTTGAGAGGCTTTTTCGCTTCTTAGCTGACCTACAATGGCCTC
AACTACTGGTGAATCTTCTCGTATTCTTCACGAGATTGAGACCTTGAAATCTGCCAAGTTGACTTAGAACGTC
GTATTTTCAGCTCTTGAATCGCAGCTACACAACCTCAATCAACCCCAACAATGGTGTCTAATGCCTCTTCCA
CTTACCATCCACCTTTCTCATGGTCTCTCCCTGATATGATTTACAGATACAGTCGCCATCTCCTTCTTCTTC
CTTCGGAGTCCAAGGACAATTGAGGCTTTCTAAGTCTTCAGTTTTAGTTGTTGGAGCGGGAGGATTGGGCTCG
CCAGCTTTATTGTATCTTGCAGCTTCTGGTGTGGTCTGCGTCTGGGAATTGTTGACCACGATGTAGTTGAGCTAAA
TAACATGCATCGGCAGATCATCCATACCGAGGCATATATTGGCCGGTCAAAAGTAGAATCTGCTGCTGCTACA
TGTCGATCGATCAACTCTACTGTCCAGATCNGTGAGCACAA

>trans_s_3016 BT011624|Arabidopsis thaliana At1g64650 mRNA, complete cds

CATTGCTGGTTTTGGTTCCTCATGTTGTTGGTACAATTGTTGGTCTCTTGCTGACAAACAAGGACGAAAGA
GGGCTTGCACTTACTTATTGTATTACATACATTCTGAGTTGCATCACCAAGCATTCTCCTGAATACAAGGCTCTAA
TGGTGGGCCGTGTTTTGGGAGGTATTGCCACTTCGCTCCTCTTTTCAGCATTGAGTCATGGCTTGTTGCAGAG
CACAATAAGAGGGGCTTTGAACAGCAATGGTTGTCTATTACATTCTCAAAGGCTATATTTCTTGGCAATGGTCT
TGTTGCAATTCTTGCTGGGTTGTTGGGAATGTACTAGTCGATAGTCTGTCTCTTGGACCAAGTGGCACCTTTTG
ATGCCGCTGCATGCTTTCTTGAATTGGTATGGCCATTATTATGTCATCATGGACTGAGAACTCGGGATCCATC
AGAGAATAAGGATTTGCTCACCCAGTTCAGGGGGGCTGCTGTTGCCATTGCATCTGATGAGAAGATCGCGCT
GCTGGGTGCCATCCAGTCTCTATTTGAAGGTTCAATGTACACCTTTGTGTTCCCTCTGGACACCTGCTCTTAGCCC
AAATAATGAAGATATTCCTCATGGCTTTATTTTTGCGACATTCATGTAACTTCAATGCTTGGAAGTCCCTTGC
ATCTAGGTTGATGGCTCGAAACACACCAAAAGTTGAGAGCTACATGCAGATTGTTTTGTTGTCTCATCTGCCT
CTCTTGTACTTCCAATAGTGACCAGTTTCTTGGTACCTCCATCAGATGTGAAAAGGTGGAAGCATCTCCTTCTC
AGGCTGCATTCAGTTGCTTGGCTTCTGTGCTTTTGATTAAGCCGT

>trans_s_3017 NM_105572|Arabidopsis thaliana BIM2 (BES1-interacting Myc-like protein 2); DNA
binding / transcription factor (BIM2) mRNA, complete cds

AGGTTAGTTGAATGGGATTCTTCTGACGGATGCATCCCACTGAAACTCGCTTGTTGTTCCGGCACCAGGCAAATC
CGGCCGTCTAAAGCGCCCCACGGCGGCTCCGTTACCATTAAGTGCCTCTGTGCGGCGGAAGCTCTGCTGCT
CAGCCATGGCTGTTACATCTTCCATTCTTAACATCAAATCCAGCCAAGTTCAACAACCTTCCCTTCTTCCCT
ACTATTTTCGTTCCGCATCTCAAACAACACCGCACTTCGATTTTGTTGCTTGGCAGCGTCTTCAATTGGTGC
AATTCTGTAATTGTTCTGTTTCCGGAGCTGTACAAGGAGTTGAAGTCTCGGTACAGAAGGATTGGAGGCTTGG
ACTGGCCAACCTGAACAAAATCCAAGTATGAGAACGGGGAAAAGCAATCAGGAAGACGACGAGTACGATGA
GGATGAGCTGGTTGGTAAAAGAGAAGGGCCTTCTTCTACTTCCAACGCTATTAGTAGCATCGGCAACAGCAAA
GATGCGAAGAACAACGATAAGGCTAATGCCATACGGTCAAGCACTCTGTGACAGAGCAGCGCAGAAGAAG
CAAGATAAATGAGAGATTCCAGATTTTGAGAGATCTTATACCTCATAGTGATCAAAAGAGAGACACTGCCTCG
TTTTTATTGGAGGTGATCGAGTATGTTTCAAGTATTACAGGAGAAGGTGCAGAAGTACGAGGGTTCATATCAGA
ATTGGAGTGGGGAACCTACTAAGCTAATACCATGGAGGAACAGTCATTGGCGCATGCAGACTTTTGTGGGC
ATCAACAATCTGTAAAAAATGGTTCTGCTTCAAGAACAACGTATTCTGGGAAGTTTGA

>trans_s_3018 NM_105756|Arabidopsis thaliana MLP43 (MLP-LIKE PROTEIN 43) (MLP43) mRNA,
complete cds

AAAAGTAATTTGAAAAAATGGCTCAGATTGCTGAGATCTCAGAGCAGGTGCAGCTTAAGTGTGTTGGTAAAA
AATTCTATGACTTCTTTGAGAACAAAATGGACATTTACCCCGATTGTTCCCTCAATATTTGAGAGCTATAAGT
TGGTAGAAGGAAATAGTTTAACTCATGGCGGCGTCTCCATTTGAAAAACAACCTTCGGTTTCGGCTCAATTGA

>trans_s_3019 AF211540|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 75 (ACRE75) mRNA, complete cds

>trans_s_3020 NM_001066784|Oryza sativa Japonica Group Os07g0611600 (Os07g0611600)
mRNA, complete cds

>trans_s_3021 AY108858|Zea mays PCO067358 mRNA sequence

ACGCCGTAAACCCTATCTCTTCCCAACCTTTTCTCTTTTCTTCTTCCAAGTTTCGACCGTCTTTCACCGCC
GCCGCCTCATGTATTTGGCATAACCACCACCTGTCCTCCATCAACGTAGCCCACTACATCTCCTGTGAGAACGA
CAAACAGAGGGAAATGAACTCGTTGGCGCGGAACATTTCTGTCTCCATCAGATCTTCGATTCACACCAATTGT

>trans_s_3022 FN395069|Malus domestica mRNA for phloem protein 2 (pp2-3 gene), cultivar Florina

>trans_s_3023 NM_121687|Arabidopsis thaliana ATP binding / protein kinase (AT5G16810) mRNA,
complete cds

>trans_s_3024_AF428357|Arabidopsis thaliana At1g74450/F1M20_13 mRNA, complete cds

ATCTCAACCATTTTTATCTCCATCGTCATCGTCATCCTCATCATCACCATTTCTAAATTCCTTCATTTTATT
CCCCTTCATTTTCTCATCCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTATTCTCCCTTTCTTCCATTTCCCTTTTTCAATTCCG
ATCTACCTTCAATCTTCCGGCGTTGATTAGCCTAGTGGCCTAGTTTCGGCGGAATTCATTTCCAAGCTCTCAA

TTTTCTGTTTGGTCGAACCAAATTGATCGACTATTAATTTAATTAATCCCTCCTCTTCATTTGGGTATTTCTC
GATTAGGGTTTCTGGTTCGTGATATGTGAAAAAGGTGTCTCTTTGTGCGAGGATGCCAGCTACGGATTACAG
GGTTCGTGCGGCTGCTTTTACCAACATTGGCCGTCCGGTTCAAGGTATTGCCCGTGATCAGCTTTACGCTATGGA
TGGCTCTCCACGTCTCCTGAGCAAGATCTTGATTCTTTTTCAGAAACAAGTTGCTGACCGGTTTTTGGACCTAG
CATCGGTTGGTCCTGATGACTTGCTTTCCCTATCATGGGTTTATAAGCTTTTGAATTCCTTCTTGCTTGTGTCAGG
AGGATTTTAAGCTTGTCTCATCAGCCACAAATCTCAAATCTCTAGACCCCTTTGGACCGTTTGGTTGCTGATT
ATTCGGAGAGAAGCGTTAAGGCGCTTGATGTTTGTAAATGCGATTCTGTGATGGGATTGAGCAGCTCCGGCAAT
GGCAAAAGCTTTTGGAGATTGTTCTTAGTGCGTTGGATAATTGTAATAATCAGAAACTCTTGGTGAGGGGCA
ATTCGTCGTGCTAAGAAGGCTCTTACTGACTTGGC

>trans_s_3025 XM_002312733|Populus trichocarpa type-a response regulator, mRNA

ACACACATAATTTCTCATTCTCTCTTCAATTCCTTTGTCTCCTACCGCCATGGCCAGAAACCCCATCTTCTCCC
GTCGCCCGAGGTCCGATCAGCTTGACGCTTTAGATCGTTTTCCACCTCTGATTCTGAAGTCCATGTTCTCGCC
GTCGATGACAGCCTCGTCGACCGTACAGTAATTGAACGCCTCCTTCGTCTTACTGCCTGTCGAGTTACTGCAGT
TGATAGTGGAATTAGAGCTTTACAATATCTTGGATTGCAAGATGAGACTAATCCCAAGTCGGGTTTGATGGG
TTGAAGGTTGATATGATCATAACAGATTACTGTATGCCCGGAATGACAGGATACGAATTGCTTAAGAAAATTA
AGGAATCATCACTTTGAGAGAGATTCCGGTGGAATTATGTCGTCGGAGAACGTGGTGCGGAGGATAGACA
GATGTTTGGAGGAAGGAGCGGAGGATTTCATAGTGAAGCCGGTGAAATTATCTGACGTGAAACGGCTCAGG
GAATATATGGTGGGGGATGAAAAGACCGGAAATGAAAGAAGTGGGATCAATAAAAGGAAGCTACGAGAGC
CGTGTGATCAACCTTCATCATCACCGTCCATTTTCATCACCAGCATCATCGGATTCCTCTCCATCATGTCCATCAC
CTTCATCATCACCGTCAGATTGCTTCAGTCCACCCCATCATCATCAGAACCGTCATCTCCAATGTCCACTCCAC
AATCGGACGGTTCTAAATGACCACCAATAAATCAAGAACACGGTGTGAGCATAGCAGCCTATCAATCCCCCCC
TCTTGTTATTATTCTTTTTCTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3026 AF227626|Euphorbia esula 40S ribosomal protein S11 mRNA, complete cds

AATCAAGACTCCTTCGGCCGCCTGAGCAAACCACAAATCCTCCTCTCTTCAATCCCTAATCATGGCGGAACA
GACCGAGAAGGCCTTTTTGAAGCAACCTAAAGTGTTTCTCTGCTCTAAAAAGACTGCAAAAGGGAAGAGACCT
GGAAAGGGCGGGAACCGTTTCTGGAAGAGTATTGGATTAGGATTCAAGACCCCAAGAGATGCCATTGAAGG
GACTTATATTGATAAGAAATGCCCTTCGCTGGAACCGTCTCCATCAGGGGACGTATTTTCTGCTGGAACATGTC
ACAGCGCTAAGATGGTCAGGACCATTATTGTAAGGCGGAACTACCTACATTATGTTAAGAAGTATCAGAGGTA
TGAGAAAAGGCACTCAAACATTCTGCCACATATCTCCTTGCTTTCGTGTGAAGGAAGGTGATCATGTTATTA
TTGGCCAATGCAGGCCATTGTCGAAGACAGTTAGGTTCAATGTGTTGAAGGTCATTCCGGCTGGATCCTCGAG
TCGTGGAAAGAAGGCTTTTCTGCTGGGATTTAAATTATGATGTAGGGGTTTCCGCTTCAATACAAAAGAAAAA
CAAGCAAGAAAGAACTTTTGAAGATTGTTAGTAGGCCAATATTTGATGGAAGAGGGGTTTTGAAAGACTTAG
CAGCAGTCTGGATTTTGATATGAATATGGACTGTTTTTTTATTGTGTTCTATTTGTTCTGATTTCTTGGCTAAATT
GGGGTTTTGAAAGTACCAACTTCTCCTGGATCTCTATTANGTAATTCTAATACATGTCAGTTTTATATAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3027 NM_179684|Arabidopsis thaliana RD2 (RD2) mRNA, complete cds

CGACCACCATTTTAAATCCCAATCAACACCCCATTTACCGTCTCTCCGATTCAATTCCACAATCCGAACATACT
CACTAAAACCCCAAATCCCATTTGATACCTTTTGTGACTTGTCTTCCATTTCCATGGATACATTAGAGGAGGA
AGAAGAATACAACCTGGAGAGAAAGTCCGGCTTCGTCGTTATCCAGTGGTGCCGAGCCAGAGCTAGAGAG
AGAGACAGCGGAGAGACGCCGCGGGCGAGACATCCTTATCGCCGTCGATCACCGTCCCAACAGCAAGCACGC
TTTCGATTGGGCTTTAATCCATTTCTGCCGCCTCGCTGACACCATCCATTTAGTCCACGCCGTTTCCAATGTGAA

GAATGAATTAGTTTATGAGTTCAGCCAGGGATTGATGGAGAAGCTTGCAGTGGAGGCCTTTGAAGTGGCCAT
GGTTAGGACTGTGGCAAGGATTGTGCAAGAAGATGCAGGGAAGGTTATTTGTAAAGAAGCAGAGAAGTTGA
AGCCTGCTGCTGTTGTTATGGGCACTAGAGGAAGAAGCTTGATTCAAAGTGTGTTGCAAGGAAGTGTGAGTG
AGCATGTCTTCCACAACCTGCAAATCAGCACCTGTTGTTATAGTTCCTGGGAAAGAAGCTGGAGAAACATCTGT
GATTTGAATCTCAACTACACTTGGTTGAAGCCTGAAATGAATCTACAATGTCTCTTCATCAATCTCTGTTTTCTT
TTTTGGTTTTAGTGTTAAAGTTGAAGGTTGTAAGAAGAATTTGATATTGTATTTATATGTTTATATATATGTAAT
GTATAGTACTAAATTTCCACCATCAAAGTTTACTTACTAAATATGATTGTGC

>trans_s_3028 XM_002878510|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata forkhead-associated domain-
containing protein, mRNA

ATTGTCGAATCACTGAGCTCCTGAAACCTCTGCAGAATTTGCACAGCTATGGAGTTGGCCGTCCATTCCTCTCT
TTCCTTCTTCAATTATTCCAATTCCTCAACCCCATCCCTACATCGAAGCACACTCTCCGGCCTTTGCCATCGTTA
TTGCCCCGTCTCAGTCTCAGCATTAGTTCCGGCCAAGGGGACGATCGCTTCTTCGACATATACAAGCTTCTTC
CCGCTGGCTTCTGGTACCCGTGCGCGATGGAGAGTGAAGCATATAGGTTCAAAAGTAGAAATGCCAGATGC
TTTCGAAATTGTGTCGAATGAGGTCACTGTTGGCCGCCTTCTGATAAAGCTGACATTGTAATCCGGTTGCTA
CAGTCTCGGGTCAACATGCTCGTATCAAAAACCAAGAAGACAAGCTGTTGGTCATAGATCTAGATAGCACCAA
TGGGACTTTCATCGACGACAAGAGGCTTAACCCTGGGGTGTGCTGCTGTATCATCTGGCAATTGCATTACTT
TTGGGGACATCCATCTGGCCATGTTTCAGGTCTCAAAGCTGAAAACCTGTTGAAGCTGCAAGCAAAATCCAAGA
AGAAACTGAGGAGCCAATCAGTGATTCTGAAACAAGTTGAGAGAAAATGCCAGATTTTATGTGCAAACATCTG
CACATTTTGTATTCTAAAACCTTTGGTTCGGACGAATTTTCCAATGAGTTATCTGATTGTTCTGTTTGTGTTAG
AGACCCAGATCAGCACCTCTACTTGAATTCCTTTGCTAAAAAAGAAGGCAATCTTCCTTCATTTTGGTGCCAG
TGTCTGTAATTGAATGCCAACTCCTCTTCATTATTACAAAAA

>trans_s_3029 XM_002310908|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

TTTGC GTTGTGTTGCCATTGCATATAGATCATATCAATTGGAGAAGATTCCAATAGATGAACAACGTTTGGATC
AATGGGATTTGCCTGCCGATGATCTTGTGTTTGTCTTCCATTGTTGGTATAAAGGATCCTTGACGCGATGGTGT
AAAGAGGCTGTAAACTGTGCACACATGCGGGTGTCAAGGTGCGCATGGTCACCGGAGACAATATACAGACT
GCAAAAGCTATAGCAGTTGAATGTGGAATACTAAACCCAAATGAGGATGCTTCTGAGCCTACAGTAATTGAA
GGAAAACATTCCGTGCATTGTGCGAGAAGGAAAGAGAACAAGTTGCTCAAAAATAACGGTGATGGGGAGG
TCTTCGCTAATGACAAGCTGTTGCTTGTCAAGCATTAAACAAGGGAGGGGACGTTGTTGCTGTGACTGGAC
ATGGGACTAATGATGCCCCTGCACTCCACGAGGCAGATATCGGTCTTCTATGGGCATTCAAGGTACTGAAGT
TGCTAAAGAGAGTTCTGATATTGTTATCTTGACGACAACCTTGTCTCAGTTGTAAAGGTTGTCAGGTGGGGG
CGTTCTGTGTATGCGAACATTAGAAATTCATCCAGTTTCAGCTCACTGTAAATGTTGCTGCTCTTGTGATCAAT
GTCGTTGCAGCTGTGTCTTCTGGTGATGTTCTCTGAATACCGTGACGCTTCTCTGGGTTAACCTGATCATGGA
TACACTTGGTGCTCTAGCATTAGCCACAGAACCACCAACTGACCACCTGATGCATCGGTGCGCTGTTGGGCGT
AGGGAACCCCTTATAACGAACATTATGTGGAGGGATTGATTGTGCAGGCTTTGT

>trans_s_3030 XM_002311042|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

ATTTCTCGTTCCTTTATATGAATTACAAAGCAGAGCAAAAAACAGAGCAGATAACACAAAATCAGAGCAAGGA
GAAGATGAAGAGTTCTGTATCGGAACAGAGTTTTTTGTATGAGAGTGAAGATGAAGAAGAGGATCAGGAGA
ATGTAGTAGTGAACAAAGATGAAGAAGATGGAACGATTACAGATTCTCCGATGATTGCTAGAAATCAGA
GACGAAGCAAGCCTGATTTCGTACACTACTACTTGGCCACAAAGTTACAGACAGTCGATGGATATGCTTGGCAG
TGTGCCATCACCTAACATCGGGATATTAGGGACATCATCTTTAACAAGATGGGGAAGCTATTTCTATCCTCT
CCTTAACAAGAAGGCATACTCCAGACACGTTAACTTCAACATCAAAACCGCTGCTTGCTACAGTGACTGACGA

GAACAAAGACGAGCAGCAACCGCTGCCACCGCTATCGCAGCGACTAAGCTCTCACTCTCTCATTCTCCCTTTCA
CTTCAAGGCGACCATCATGCATAAAAAAGGATGACAAACCTTCCAAAGTTCCACACGAGTTTCCCACTGCTCGT
CGAAGCTCATTTAGTCAAGCCATGCTCAATGGTGGAAATGTGCTATGTGGGGTTGGAATACTAACGACGCCTT
ATGCAGCGAAAGAGGGAGGATGGCTTGGACTTTCCATTTTGTAAATATTTGCTGTGGTCTGTTACTACACTGG
ACTCCTCCTCCGTGACTGCATGGAAAGTAGACCAGAGCTCGATACTTACCCAGACATTGGCCAGGCAGCCTTT
GGCACCACGGGTCTGAATCGTCATCTCGATCCGCGGTGCACGTTCCGGCGCAGCTCT

>trans_s_3031 XM_002319681|Populus trichocarpa histone ubiquitination proteins group
(HUPB902), mRNA

GGTGGAGATCTCTTCTCGACGACCACTTCTCATTAAACCTGCAGGCAAAGTAATCGGGTTTAATTTCTTTGAA
TTCATTTCTGAATCCACCGAGATCAGCCTAAGTTCTCAGCTCGCCGTGCTAGGTTACGGCCGGTGAGGATGTCT
ACTCCTGCAAGGAAGAGATTGATGAGGGACTTCAGGAGGTTGCAACAAGATCCACCTGCTGGCATCAGTGGT
GCTCCCCAAGACAATAATATCATGCTATGGAATGCTGTTATATTTGGCCAGATGATACACCTTGGGATGGAG
GTACGTTTAAGCTGACTCTTCAGTTCACCGAGGACTATCCAAATAAGCCACCAACAGTCCGCTTTGTGTCTAGA
ATGTTCCACCCTAATATTTATGCTGATGGAAGCATTGCTTGGACATTCTGCAAAATCAGTGGAGCCCAATCTA
TGATGTAGCAGCTATACTTACCTCTATTAGTCGTTGCTGTGCGACCCCAACCCGAACCTCTCTGCTAATTCTGA
AGCTGCTAGGATGTTTAGTGAGAACAAGCGTGAATACAACAGGAGAGTACGCGAGATCGTGGAACAGAGTT
GGACTGCTGATTAGCCACAAAATGGTTGTAGGAGAACGAAAAAGATAGTCGGTGGCTTGTTCATGATATTT
TACCTGGGAAGAAAACCAATTTGTTGTGAATTTGCGTATTATGTGATATGCTTGGTTTATAAAGATGAA
CGACTTTGGTCTATTTCAATTCGACTATCTGCTAGTATTTTGGCATCTTCTCAAGTAAGTTTTCTCTCTCCAT
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3032 NM_001056510|Oryza sativa Japonica Group Os03g0323800 (Os03g0323800)
mRNA, complete cds

AAAACCGGAACCTTAGGGTTTTAGCGCATTCCCTCTGGGGTTTAGAGAGAGATAACCCTAACTCTCCCTCTCTC
TCTCTCTCTCGTTCTCCGATCGCTACACTAACTCAAATCAATCTCATTCCCGTTTCCTTTCCGATCGTCCCCTC
GCCATTACTACACTTGATTCTCTGCTATTTACTTTTGTGATTCTACACAATGGCGGGCCTTGCTCCTCCGACCG
CCGCCACTGCTACGGCTGCGCCTTATCCCCTACCCGTCCCACCGAAAAAGACAGAGGATGAGAAGGTTGATTA
CTTGAACCTCCCTTGTCGGATCCCCTACGAGGAGATTACCGTGAAGCTTTCATGTCCTTAAAGCCGGAACCTAT
TTGAAGGGATGCGATTTGATTTTACTAAAGGACTCAATCAAAAGTTTTCCCTCAGCCACAGTGTGTTTATGGGA
CCAATGAGATTCTAACCAATCTGCCGAAACCATCAAATACCTACTGCTACTTACGAGTTTGGTGCCAATTT
TATAGATCCGAAGTTGATGCTTTTTGGGAGGATACTACCGATGGTAGGCTGAATGCAAGAGTGAAGTGTGA
TTTATCTGACAATCTCACCTTAAAGGCCAATGCACAGCTGACAAATGAGCCACATATGTCACATGGAATGGTC
AACTTCGATTATAAGGGCAGAGACTTCAGAACTCAATTTCAATTGGGCAATGGTGCCTATTTGGAGCCAGTT
ACATTGAGAGTGTATCCCCTCACCTGTCGTTGGGTGGTGAAGTATTTGGGCTGGTCAGCATAGAAAGTCTGG
TATTGGTTATGCTGCAAGATACAACACTGATAAGATGGTTGCCACTG

>trans_s_3033 NM_127351|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family
protein (AT2G17970) mRNA, complete cds

TAATTTGGATTTTTAGCATAATTACTTCTGCTGAGTTCTCCGTCTTTGCTGTGACCGATTCTTTCTTCTTCAGC
AATATCTTCGTAGCCACCGTCTCGTCTCTTGCAAGTTGATTATCTGCCACTCGACGATGGCAATTAGTCATCACCA
TCTCAAACCTGGAAGACCTTTTCTTCATAATTACAAGCCCTCGGAGCTAAAGATCGCTTCTGAGTTTCTCACCAC
TTGGCTTCCGTTTCTTCCAAGGATCTCTGCGGAGGCTGCACCAAATTGCTCTCGGATCGTATCCGCACCCTCG
ATCCAGCCGACCGTTCCGACGAGAATTCAGGTTCTGCACCACCAGTGGAAGACATGCATGAAAGTAACGGTA

ATCAGGATGATGCTTTTGATGCAAATTCTCTTGGAAGTTGGAAAGATGAAGCGGAAACAAATTCATTAGGGA
GTTGGAAAGATGGCATGAACGGAGGGAATGAAGCTGATGGAGGACCTGAAAATTCTTCTAGTGATCTGCCCT
CTAAATTAAATCCACCAAGACCTCAGGCCCTCGAATGTCGTGGGCTGATATGACTCAGGAAGATGAACTAGA
AGAAGAGGAAGATGAGTATGAATCAGAAAAAGATTAGTGAGTCTTAATGAGTCCACACGGAAGTTAACAAT
ATCGAAGGTTATTGAGAGGCCAAAGCTGTCTAGAGAGCAGAGAGAGCATATCAGATTCATGAATGTTGGACG
GAAGAAAGATTTTATTTGTCTGGAGAGGTTTAAAGGAAAAGTGAATATTCTTGAAGGACTTGAAC TTCAT
ACGTGTATTTTATGTGCTGCAGAACAGACGAGAATAGTTGATCATGTTTATG

>trans_s_3034 NM_111944|Arabidopsis thaliana outer membrane OMP85 family protein
(AT3G11070) mRNA, complete cds

AAATGGGTTTCTGAACAAGCCATCATCTCTTCCAGAGCGCTTTTCTCTTGGTGATTTGTCTCCAGTATGCACCA
TTGGAGGCCCCGACAACTGTATGGGGATTAAAGACGCGTGGAATGGGGCCAACTGAGCCAAGGCGCGAAGTG
AGAGATGAAAATAAGGATGAAAACAATGATTCTCTTGGAAAGGGATTTTGTGGAGGAGATCTTGCAGTCACT
GCTTTTGCAGATCTTTCGTTTGACCTCCCAATTCGCTGGTTAAGAGAACATGGAATCCATGGCCACATCTTGC
TGGTGCAGGCAACCTTGCAAAGTTGACCGAGAACGAGTTCGCGAGTTTCTCTTCCAGAAGTTCATGGAAACA
TTTCGTACCTCTGTAGGAGTTGGGGTTGTGGTTCCAACAAGACTCTTCCGCCTAGAGGGGAATTTCTACTACAT
ATTGAAGCAACAAGAACATGATCGTGGAATACTGGCTTTCGGTTTAGCATTTCTGCTCCATCATAAATCTAAT
TTTGACGAGGTTTGATGTTTCAGGAATCACAGAGTAAGGCGGAAGTTATTTTCTTCTCGAGTTATCATTTTGA
CTGGATGAAAAAAGCTTTCTTTTATAAACATCCAGGGAAGTTAGAAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGA
AAAAGAAAAAGAAAGCTTTTCTTCAACCATGGAGAATGGAAGGGAATAATATGGTTTGTGATTGTCGTATTTG
AACAGGTTACTAAAACCTCTCTCGAAATTGTTTTCATTGACCCAAATCGGCGGATAATTTTTTGTCTCCATCA
ATGATATGAGACAATTCCATTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3035 AB003378|Salix bakko mRNA for SUI1 homolog, complete cds

CTCTCACACATATAACCTTCCTTTGACTTCGATCCTTTGATTTTACGTCTCTTCTTCTCGGATTCACACCTTTT
CTCCTGTTTTGAGCAGCTGAATTTAAGAGCTCATAGCTTTTGCTGGTTACCTGTGTTCTACTCCGGACAGCCAA
GTTTCATGTCTGAATTCACGTGCAGATTCCATCTGCTTTGACCCATTTGCTGATGCAAATGCTGAGGACTCG
GGAGCCGGAGCAAAAGAGTATGTTTCATGTCCGCATACAGCAACGCAACGGGAGAAAAAGTCTGACAACTGTT
CAAGGATTGAAGAAGGAATTTAGTTATAACAAGATTCTTAAGGACCTGAAGAAGGAATTTGCTGTAATGGC
ACAGTTGTGCAAGATCCTGAGCTAGGCCAGGTTATACAACTTCAGGGAGACCAAAGAAAGAATGTGTCTACA
TTCCTTGTGCAGGCTGGTATTGTGAAGAAGGAAAACATCAAGATTCACGGTTTCTAAAAACCATCAAGTTTGT
GTTTACAGCAGCTTATAACTGATAGTAGTGATATAATATACTATCTTTAGAACTTACGAGTGCATGCTAC
AACTCTGGATCAATGTACGTTTGCTTTGCTTTGTTATGCAGACCAAGTTATGGATTGGTGGACGTGGACCATT
TAGTTAATAATATGTTTCTGCTTTCTTATCTTATCTCGATGGCAACTTTAGATCTTGACCTCTCATTTTCTGATT
TTTGTTAATTTGTTTATAACGGGGTCGAGATATAAATTATTTGCAGCATTGTTTCTCCACGAGTCTTGATTCTC
GTGATCAAATTGTATTCTTAGCATTTTATACATTTATGAGAAA

>trans_s_3036 NM_129790|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein
(AT2G42280) mRNA, complete cds

ATATGCCTCCAATCGCGGAAGAGGAGAATAAAAGCATAGGCATTGTCAGTAGCTCTCGCCATCGTCAGAAAG
CGAACAGCGGTGATCGACTTCAGACCGACGATTTCTCAATAGTTCTTGGGATAACTCTGCAATGAGGGATAT
AAAGAGAGGGGAGAGATAACAATGGGCATGCATTTCAACTTCATTGTGCTTAAACTCAGAATGCTGATTCT
GGAAATAACATTCGTGGATTGGCTCATATTTGAGTTTACCTATAAGTTTCAATAAGGATCCGGTAGAGAAAT
ATTTGAGATTTCAAGAGCCTGTTCTCATCAAATTCGAGCAAAAAGAGGATGTGCCACACACCCGCGAAGCAT

TGCAGAGCGGATGAGAAGAACACGGATTAGTGAGAGAATTAAGAACTGCAAGAGCTGTTTCCTGACATGG
ACAAGCAGACAAGCACAGCCGATATGTTAGAGTTGGCCGTTGAATACATTAAAGGGCTGCAGAGACAGGTCA
AGACTCTCACAGATACGAAAGCGAAATGCACTTGCTCATGCTCGAGCCAATAACAAGAAGCCAGAAAGAAAG
CAACACCTATCTTTTAGTTTGATTTTGATCTGTACAGAAAGCAGGCAACACCTATCTTTAAGCTCTAAGGAAC
ATGAAGATACAAGAAAGAACAATACAACGTTGTCTACTTTGTTTAAAAGTTATAGGATTTTAGGAAATTGTCT
GTGTAATAGAACTGTTGTAAGTTAAAAAAGTTCAATGTAAGATCCAAATCATGGATCATTCACTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3037 EU136026|Hevea brasiliensis coronatine-insensitive 1 (COI1) mRNA, complete cds

AATTGATTCCGTCGAGACGAGTTGTTGTGCTGATCAAGTTGGGGAGATGGTGGTGGCTGAACACCCTGCTC
ATATACTTGCATACTACTCCCTAGCAGGACCAAGAACTGATTTTCCAGAGAGCGTTGTACCGTTGGATTCTAG
TCCTTGATCGCTTCATAGAGCTTATGGGGATGTACATAACAAGTCAACAACAACAAACAAAGGACAAC
AACAATCTCTCTCTCATTTGTTCTTTCCTCTTTTCCATTTGCCACGTACCTGTTAATAGAATTGAAGGTGTTACA
AAATTTGCGGTTAGGATGAAAATTTGTGTTTGGAAAAGTCATTTTGTGTGGTGGTATCATCAAATATAAACA
AAGACAGAAAGAAAGAACGAAGGACGAGGACGAGGACGAAGACAAGACAGAGAAAGACGGTTTTAATGTT
GTAATAAGGCTGTGTTGTTTTGTTCTTGAAACAGTGCCATCATGATGATGGAAATGGCAGTTTGAACACTGTT
TATTGCAAAGACTTTCCTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTCTCGACTTTTGCCTTTTGAAGAAG
AAGAAGAAGAAGAAGAAGAACCTTAGCTTTTTAGGTGTGATGGTAATAGTGAATATTACTTTCTTCTTTCT
GAGTTAAAAAATCCCACTCAGAGAATTATGGTTTTTTCTTTTTGTTTTTTCTTTGTTCTTCTTTTTTTATA
GTTAGTTGGTGGGGTTATTGGAGATCAATGGTTTGATCAGTTGTGAATAAATGAAAGAGCCTTCTACAAATA
GTTTCAGAACTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3038 XM_002306666|Populus trichocarpa thioredoxin y (PtrTrxy1), mRNA

AGACGTCATAATTCCTCTATCGACATTGTTGGAGGAGCCGAGAGAGAGCCTTCACATGGCCGCCTCCTTTTCA
ACTTCACCTTATCCTCTCCTCACCTCCCACCGCTCCAATCGCTTGCTGCCTACCATTCTTCTTCATCCGCACTCTC
TTCCTCCTCCTCTCTACACCTACCTCTTCAGCTTCGACGTTTTCGACTTGGAACACTCGGATTTACCTCCATCC
CCCTCTCGAACCTTCTCTGGTCAAAGCAAAGAACCAAACGTTCTCTCCTTTGATGATTTACTGGCCAACTCT
GACAAACCTGTGCTAGTCGACTTCTATGCAACCTGGTGTGGTCCTTGTCAGTTCATGGTTCCTATTCTTGAAAA
AGTTAGTGCAGCGCTGATTGACAAAGTCCAGGTGGTCAAGATAGACACTGAAAAATATCCTGCCATCGCTGAT
AAATACAGAATAGAGGCATTACCTACATTCATCCTCTTCAAAGATGGAAAACCCCTTGACCGATTTGAAGGAG
CTTTGGCTGCGCGTGAGCTCATCCAACGCATTGAAGATTCTCTGAAGGTTAAGCAATAACAGTGGGGAGATGT
GACTGAGAAATTAAGAAATGGAAACCAATGTCTTCAACAGGAATTCTGGGTATGATAGATGAGAAATTTCA
ATAAAATTAACCTCCCCCTCCCCCAACCAAAAAAATGAAAAAAGAAAAGAAAGGAAGAACATTTTAGA
TAATTCTGTAACTTGTATGTAATTGAAATACTTGAAGAATGTAAGTATAGACGTTTCGTATTAATCCCAATTTT
GTGTTCAATTAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3039 AB303333|Cucurbita maxima mRNA for glyoxalase I, complete cds

ACAATGGGCCTATCTACCCTTTTTGATTGAGTTCTTAGAACTGGTTTTTCTTGCAAGAGATTGAATCGATTGAG
ATCCTTCTCCATGGCTTCGTCTCCTAAAGAATCTCCAGCCAACAATCCAGGACTTCATGCTACTCTGATGATGC
CACTAAAGGTTACATCATGCAACAGACTATGTATCGGATTAAGGATCCTAAAGTCAGTCTCGACTTCTATTCTC
GAGTTCTGGGAATGTCATTACTCAAGAGGCTGGATTTCCCGGAAATGAAGTTTAGCTTGACTTTATGGGTTA
TGAGGATACAGTGTCTGCACCAGAAAGCTCAGTTGATAGAACAGTGTGGACCTTTGGTCGAAAGGCTACGAT
TGAGTTAACACACAACCTGGGGTACTGAAAGTGACCCGAATTCAAAGGATATCATAATGGGAACCTCAGATCCT
CGTGGCTTTGGACACATTGGCATAACTGTTGATGACACAATTAAGGCATGTGAAAGATTTGAACGCTTAGGTG

TCGAATTCGTTAAAAAACCAGATGACGGCAAGATGAAAGGAATTGCATTTATCAAGGATCCTGATGGCTACTG
GATTGAAATCTTTGATCTCAAACTATTGGAAAAGTTACTTCTGAGGCTGCTTGAGATAATATGAACCTTTTTCT
GGTAAGTTAAAGGGCGCTTGTTGTTTCAAATCAGTGCTTCCATAGATTAAGTGGATCGAATTGCTTCCAGCTTA
GCTACTGTCAATTCATTTGTTATGAAGTTGTGAGTCCAAGCATCTCCAGACCAAATAGGTTATATCACTAGCAT
GATGTTGGTTTTGTAATAAAATCATACATATTGATGTGCAAATAACT

>trans_s_3040 NM_001049423 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0319400 (Os01g0319400)
mRNA, complete cds

AGTTACCTTTCAATTATTTAATTTGCTATCTACCAACATAATTCTTCCATATCAATTTCCACAAATTCAAGGTGTAC
TTCTTCATTTTTCTTTATCTCTTTTTTTTTCAGTTTAATTATTATCTCTAAAACTACTACTCATTGCAATTATTCAAG
TGTTTAAAAGGTTAACTTTTTTTAATTAAATTGGATACTGAATTAAGCTCAACCCATTGGTATATGTTATTTTCAG
TGGAAATGGAAAATGTTAATGATGAAGTAGATGAAGCAAAAAACAACAAATCCTACAACGAGATTGCAGAAA
TTAGTGAGGTTGAAGACCTTGTTGGTGATGTTGTGATATATATCCATTAAAAAAATATTGGAAAAGTGCCTCC
TGCTAATCCAGACTCCAGCATCTGTAGAGTTTCGAAACAACAACGCAGGACGAATAGCATAGCTTATGTTCCC
TCGAGTGATTTCATGGGCTCTTTTACCGTCATACTAAGGATTGAAAGCTACAGAAGAATACAAACATCAA
GGTTTCTGTAACTTTTACGTCGTCTGGATGATGATCATAAGGAGAGAGCTAGATTGTTGAAGGAGCTTGTTGG
TAAAAGCTGAGCGTTGGGTAGAAGAAGCCCGCAAGTGTTATGCAGAACCAATAGACATGAAGGAAAAGGAG
TTTGTTATGATGATGCTTATGGATGGGTGCTTTATAATAGAATTTTTTATACTGGTTCATGACCACTACACTACT
TCAGCTCAATATCATTGTAAGTTCACCCAAATTCCAGGCAATGTAGACTTTTTATTTAGCAAGAAATCATTCCT
GATGTGTATCTTGACTTAATAAAGCTAGAAAATCAGGTTCTTC

>trans_s_3041 NM_180493 | *Arabidopsis thaliana* MUB2 (MEMBRANE-ANCHORED UBIQUITIN-FOLD
PROTEIN 2) (MUB2) mRNA, complete cds

ACTTTGAAAACCTCCGGAGGAGCCTCGTCTCTGAGTTCTTCTTTGATCTCTTCAACTGGTTTTGTACTATTATTAT
TCATAGAGCTTTTGTTTTTCTTCACTTTCAACCTCTGAATCAAGGTTTGTGGAAAAAAGACAAGTACCCAGAT
CAATTTTTTCAGCCGAGTTCATAGCGGTTAAGAATCTCCCTTGAGAGAATCTGAGGAAAAAATTTCTGCTAAT
TAACCGCATTGCAATACTCGGGTGGGATTTTTTTGATTCTTTTCTTGGAAATCCAATTTGTTGCGATTGATT
GAAGACACAAGTCAATATGGCTGGAGTGGGAGATCAATTGGAGATCAAGTTTCGACTGAACGATGGATCTGA
TATTGGCCCCAAAACCTTTCCCTGCTGCCACAAGCATAGCAACCTTGAAAGAAAGCATTCTTGACAATGGCCAA
GAGAAAAGGAGAATGGTCCAAGAACAGTTAAGGATGTGAAGTTAATAAGTGCAGGAAAAATCTTAGAGAAT
AATAGAACACTTAATGATTGCAGAAGCCCATTATATGACATTCTGGCAGTGTGACAACCATGCATGTCGTTAT
CCAACCACTTTGGAGAAAAGAAAAGAAAGCTGGAGAACAAGCAACACAAAACAAGTGTGTTTGTGTTAT
ACTATAAACGGAACCTGTGGAAGTTCTTGACGCCATTTTTGAGTGCATAAAGATAGCAAATTTTTCTTTTAAA
AGTTCTGATGCCAATAACAGCTTGGAATCAGTTGAAGAAGCTTTTTCTGGAGCTTGTTATTGGTTTCACAGT
AGTAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3042 NM_125384 | *Arabidopsis thaliana* HTB4; DNA binding (HTB4) mRNA, complete cds

AAATCGTTCAATATCATTAAATCCCCCTTGCCGTTCCCAACACCGCTAGAGCTCTTTCACCTTCATACCAACAA
TGGCGCCAACGAAAGCCGAAAAGAAGCCCGCAGAGAAGAAGCCAGCGGAGAAAACCCCTTCTCGGCAGAG
AAGAAGCCAAAGGCTGAGAAGAAGATCGCCAAAGACAGTGGCGACAAGAAGAAGAAGATCAAAAAGA
GCACCGAGACTTACAAGATCTACATTTTCAAGGTTTGAAGCAGGTTTCATCCCGACATTGGAATCTCCAGCAA
GGCAATGGGCATCATGAACAGTTTCATCAACGATATCTTCGAAAACTTGCTCAAGAGGCTTCGAAATTGGCA
AGATACAACAAGAACTACGATCACCTACGGGAGATCCAAACCGCCGTTTCGATTAGTGTTGCCTGGTGAGT
TAGCGAAGCACGCCGTTTCTGAAGGAACTAAGGCCGTAACCAAATTTACAAGCTCTTAGATTCCGGTGTCCGT

GAATTTTGAATTAGGGTTTCGTTTTGGGTACTTTTTGTGTAGATCTTGGTGTCTCTCTGGTTACAGGTGTATC
GAAATGCCTATAGTTTAAATGGATAACAAAGTTCTTCTTCGGTAGATTCTTCTATTTTCTTTGGCAAATGCT
GTGATACTTCTATCCTAATGTGAAAAATAGGGTTTGCACAGATCCGATCGTTATTGTGCTTTGGATTGCGATTAT
AGAATACATGCATCATGATCTGGAATTGAAATTTCTTAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3043 NM_121562|Arabidopsis thaliana LNG1 (LONGIFOLIA1) (LNG1) mRNA, complete cds

CAAGAGGTCCCAGTTCAATCACAGAAAAGCACAGAAAGCCTCAGCACTGAGATTAAGAACTGAAGTCAGAG
ATTGACAAATTAAGGAAGCATATTCGCCAAGTAACTTCAGTAATGAGGAGGAGGAGCTCTTGAATGACAGC
AAGGATCATTCTGCCAAGAAATGAATTCTCAGCACAAATATATTTGGCAAATATTATCAGAATCAGGTCTCCT
CAAAGATCTTGACCATGGCATGTCTGCCATTGAGCTCCACTCACCAGGACACTTGATCAATCCCACTTATTTCT
CCACTTGAGCAATCCACGACGGTTAAATGGCCTTTTGATGGTGATTACATACAGTAACTGAATCCACATCAGA
AGATCGCAATAAAGTTCAGAGGAACTCGTGTTTGATACTGTTAATGAAATCTTTTGGACAACTAGTGGCT
GAACGTTCTTCCAAACATTGGCTCTCAAAAAGTACTATTGCAGGAACGGATTCAAGAGGGCAACAGATTTTGA
AAGAACTATGCACACAGATTGATCAGCTACAAGATAGCAACCAAAGTGGCAGTCTCCACGACTACGATGATGC
TTCAAGAAACATGATTTGGAAAGATTGATGTATCCATCCCCTACTGGGGAAATTACCAAACGACATTTCCC
GGCATAGTGTGGATATTGAGCGGCAGATCTTCAAAGACTTGATAACTGAGATCGTGATGAATGAAGCAAGC
TTCTATGACAATAACTGCAGGGAATTTCCCTCAAAGTACTAGAGAATTCCATCATCTAGGATAAAATAATGTGCAAT
CTCTTCTACGACTTCAAACCTTGCATCCTTAGTCACTTCTACAGGTTTAGGT

>trans_s_3044 HM122465|Malus x domestica BZIP domain class transcription factor (BZIP13)
mRNA, complete cds

ATTGCTGAGGCTTCTGGGAATACACCAGGCAACATGGAAGGGGAAGGTAAACCATCTGAGCTGAAAGAAAA
ATTGCCAATTAAGATCGAAAGGAAGTCTGGGAAGTTTAAGCATGATAACTGGGAAGAACAATGAGCTTGG
TAAACCATCAGGGACATCTGCTAATGGAGTTTATTCTAAAAGTGCTGAAAGTGAAAGTGAAGGCACGAGTGA
AGGAAGTGGTGCTGACTCTGAAAACGATTCACTAACTAAAATCTGGTTCTGGGAAAGATTCTTTAGAAGGTGG
AGGGACTCTAATGGTTTAATGCATGGTTCTCAGAATGAAGGACATAGTCTTGACATCCATTGGTGAACCAA
ACGATGTCCATAATACCAATCCAAGCTTCAGGAGCTGTTTCGGGTCTGCTACAAATTTAAATATAGGAATGG
ATTATTGGGGTACCCCAACAATTCTGCCATCTCTTCATTGTGTGGGAAGGTCCCTTCAGCTCCAATTGCAGGA
GCTGTTGCTGCTGGGTACGAGACGGCATTCCGTCACAGCCTTGTTACAGGATGAAAGAGAGCTAAAAAGA
CAAAGAAGGAAGCAATCAAATAGAGAATCTGCTCGTAGATCTCGGTTGCGTAAACAGGCTGAATGTGATGAG
CTATCTCAACGTGCCGAAGCTTTGAAGGAAGAAAATGCGAGTCTAAGATCTGAAGTGGATAGGATCAGGACT
GAGTACGAGCAACTTCTTTCAGAAAATGCCTCTCTCAAGAGGAGGCTTGGCGAAAGTGATGGAAATGAAGAT
CCAAGATCTTACCAAGACGGGCAAAATTTGAAAAAGGTCATCATACATCCCCGGCCCACTT

>trans_s_3045 XM_002871535|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata structural constituent of ribosome,
mRNA

ACACTCCAATTTCCATTCCAATGGCGTTTTCTGCTTTCTCCCTCTTCCATTCCCCGTCTCCTTAGGGTTCGCC
GCCCTCAATCTCCCACCACCGCCTTTCCTCGCCTTTCCTCCCTGTTTCTGCTTCTTGAGCTCTTCTCTTCTGAA
TCTAAATCCGCTAAATCATCCTCCCCACCGATAATCTTGTTTCTCCTCAAATGGAAGTACTCCCCCTCCTTTG
TTGAACCTCCACACCTCCTGACTCTAATTTCCCTTACGATTTCCCTAACCTACTCCTGCTGCGTCTGCTTCTCT
TCACCCATTCTTGGGTTTATGCAATCCACTGAATCTTCAATTGAGAGGGTTATTTTTGACTTCCGTTTCTTGGC
CCTGCTTGCAGTTGGGGTTCACTGGCGGGTTCACTTGTGCTTTCTCAATGGCTGCGTTTATATTTGTGATG
CATATAAAGTTTACTGGTCAAGCTGTGTCAAAGGAATTCACACCGGACAAATGGTTTTGCGACTTGTTGAAGC

TATCGATGTATATCTTGCTGGAACCGTCATGTTAATTTTTGGGATGGGCCTGTATGGATTGTTTATCAGTAATG
TGTCCCCTGATGAACCTCCTCTTGTTGATCGTGCCCTGAAAGGGTCTCACTGTTTGGGATGTTTGCCTTGAAG
GAGAGGCCAAAATGGATGAAAATTAGCTCCCTTGATGAGCTGAAAACAAAAGTTGGACATGTTATTGTGATG
ATTCTTTTAGTGAAAATGTTGAGAGAAGCAAAATGGTAACAATAGCAACAGGTCTTGATCTACTCAGCTATTC
TGTTTGCATTTTCTTGCTTCNGCTTCTTTATACATC

>trans_s_3046 BT005865|Arabidopsis thaliana At1g23710 gene, complete cds

ATAGTTATTATACTTGCCCTTTCCCCACCCCCTCTCCTCATACTCACAAGAAACGAGTTCCCAATTTTTCATT
CCCACCTCCGAAACCTAATTCTGTGCGCGACATGAACCTCGCCCAACCCCAGCACATCGAAAGCGACCTTCAA
GTCGAATCCTTGCTTTCCACGACAAATTAATCTTCAACCGGTGAACAAGATGAAGAAGATGAAGGTGATG
AAGATTTCTCCTTTGTGTGCGTCAATCCTGATGCTTCTCTCCCAATCAGCGCCGACGATGCCTTCTATAACGGCC
AGATCCGTCCCGTTTACCACTCTTCGATCGAGACCTCCTCTTTGTAGACGAAACGCTTCCGCCGCCCTTGAGG
AAGGTGTTCTGTTGAAAAGCCTGATACTGATCTGGCATCCGTATCGGAGTCGGAGGGAGCTACTGAGGGCACC
TACTGCGAGTGTTCTCCGGCGACGGCAGACCTCGGGAAGAAGAGCAACTCCACTGGCTTCTCCAAGCTTTGG
AGATTCCGGGACTTTATGACGGTGCACCGAAGCAGCAGTGATGGCAAAAACGCCTTCGTTTTCTTGAGCAATA
ACCATCCCTCCACCACCTCTAGGAGCAATAACAGTCCCTCCACCACCTGTAGTTCCAGTTCCCCCAATTTCTCT
CCAAAAACAGCAGCCCCACAAGCAGCTTCCACCTCAAACATCATCTCCCCCATCAGACACACTATGTTAAA
AGCAGAGCCCAGAAGAAGCAAGTCCACAAACACAAGTCCTATCTCCCCTACCGCCAGGATTTGGTTGGCTTCT
TCACCACCGTCAATGGATTACCAAAAAATGTCCATCCTTTCTAATTC

>trans_s_3047 U13669|Gossypium hirsutum vacuolar H⁺-ATPase proteolipid (16 kDa) subunit
(cva16-2) mRNA, complete cds

AGTATCCGAAGGAAAAACGCAAAATCAGAGAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAACTTCAGATCTGATCTGA
TCGGAGATCCTTTCTTCTCTCTATCGGAAAATATGTCGTCAACCTTCAGCGGTGATGAAACGGCACCCCTTCT
TGGCTTTCTCGGCGCTGCTGCGGCCCTGTTTTCTCCTGTATGGGAGCTGCTTACGGGACCGCAAAGAGCGGT
GTTGGTGTGGCGTCAATGGGAGTGATGAGGCCGGAATTGGTAATGAAGTCTATTGTTCCGGTGGTTATGGCT
GGAGTTTTGGGTATTTACGTTTTGATTATTGCTGTGATTATTAGTACGGGGATTAACCTAAAGCTAAATCTTA
TTACCTTTTCGATGGCTACGCTCATCTTCTCTGGTCTTGCTTGCGGCCTCGCCGGTCTATCTGCTGGCATGAC
TATCGGAATCGTCGGCGATGCGGGCGTCAGGGCCAATGCACAACAACCTAAGCTTTTTGTTGGGATGATTCTC
ATTCTAATTTTCGCCGAAGCACTTGCTCTTTATGGACTTATTGTTGGTATTATTCTCTCCTCTCGAGCTGGTCAGT
CAAGAGCTGATTAAGTGATGAAATGTTTTGAGCTTGGAATTTGTGTTGGTCTATCCTTTTTCCCTTTTATCTCAT
GAATTATTTTGTAGTTCTATGATTAGAAATGGTCATGACTAAGTTTTTACTTTCTCAAATATGCTTGTGGTCG
TGTGATTTCTGTACCACATATATTCTGTACTCATAAGGATTTGGAAACAATTGTTCTCTCAATAAACATATAAAA
CATTGCTTCAAAAAACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3048 AJ306557|Helianthus annuus hsp17.6a gene for 17.67 kDa heat-shock protein and
hsp17.6b gene for 17.6 kDa heat-shock protein

AAATTTCCGTATCAACAAGATCAATCGAAGCGCTATCAAATTTCCCATCCAAGTCGATTTTCAAGTTCATCAAA
CCAAAACCTAAGAAGATGTCGATGATTCCAAGCTTTTTCGGTGGCCGACGGAGCAGCGTCTTCGATCCATTTG
CCACGTTTCGACCTCTCGGATCCATTGATTTTCACTTCTCTTCAATCTCATCTCACTTTCCCGAAATCGCTCG
AGAACTTCAGCTATAGTGAACGCTCGTGTAGATTGGAAGGAGACGCCGGAGGCTCATGTTCTGAAAGCCGA
TCTGCCTGGACTGAAGAAGGAGGAAGTGAAGTGGAGATCGAAGACGGAAAAGTGATTAGATTAGCGGCG
AGCGGAGCGTAGAGAAAGAGGATAAGAACGAGAAATGGCATCGAATGGAGCGAAGCAGTGGAAGTTTAA
GAGGAGATTTAGGATGCCGGAGGATGTGAAAATGGAGGAAATTAGGGCATCAATGGAGAACGGAGTTCTAA

CTGTGACGGTGCCTAAGGCGGAAGAAAAGAAGGCGGATGTGAAGTCTGTTGAGATTTCCGGCTAAACAAATT
GAGAATGTTTGAATGGATTTTGTGTTTTGGTTATTTGAAGATGTAAATGTATTGCGTTGTGATTTTGAATC
ATAATCTTAGTTTTCTTTTTCTATTGAGATTGCTTAATACTTAGACGCCAAATTGTAGTTCATTCTCTCTTAAAA
TCTCCATTCTGATATAGTATTTTGAAGTTAATGTCAATCCTAGTCTGAGTTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3049 EU373036|Gossypium hirsutum gland development related protein 45-like mRNA,
complete sequence

TACTCATTTTGAGACTGATAAATTTTCATGCTTAGTGATGGAGTTTTGCCCCGGGGGAGACTTGACACTCTAA
GGCAGAGGCAGCCAGGGAAGCATTTTACCGAACAGGCAGTGAAATTTATGTAGCAGAGGTCTCCTAGCAC
TCGAGTATCTTCATATGCTTGGGATTGTATACCGGGACCTTAAGCCTGAGAATGCTCTTGTGAGGGAAGATGG
ACATATAATGCTTTCAGACTTTGATCTTTCCTAAGATGTGCAGTTAGTCCAACATTGGTGAAGGGCTCATGTT
CCGAGTCTGAACCTTTGAGAAAGAATTCAACTTATTGTGTTCAACCGGCTTGATTGAACCTTCTGCATCCAG
CCCTCTGTGTAGTTCCACGACATGCTTCACTCCCCGACTTTTCTCTAGCAAGTCAAAGAAGGATAGAAAACC
CAAGACTGAAATAGGAAATCAGGTAACGCCTTTGCCAGAGCTCATTGCAGAGCCTACGGAGGCAAGGTCAAT
GTCATTTGTTGGCACACATGAATATTTGGCACCGGAGATCATTAAAGGCGAAGGCCATGGAAAGTGTGTTGAC
TGGTGGACTTTTGAATATTCCTATACGAACTGTTGTTTGGTAAACTCCTTTTAAGGGATCTGGGAATCGAGC
CACGTTGTTCAATGTGGTTGGTCAGCCTTTGCGGTTTCTGAATCACCAGTTGTGAGTTTGTGCAAGGGATC
TCATCAGGGGATTGCTTGGCAAGGAACCACAGCATAGATTAGCTTACAAACGAGGGGCAACTGAGATCAAAC
AACATCCTTTTTTTGAAGGTGTTAACTGGGCACTGATACGTTGCGCTTCACC

>trans_s_3050 DQ792717|Glycine max transcription factor bZIP37 (bZIP37) mRNA, partial cds

CTTTCCTAGCTAGCGAGAAAGCTATGGCCTCTCGCAGGGCGTCTGATACCGACAAGGCTAGGGAGACTGGCC
TCGCAATTCCTAGAGATCTTAGTCCAGCCCTTACTATTCCAACATCAGGGCACTTCCTTCTCGTCCAGCTAACA
GGGACCACAAGAAGGCAACTGCGGTTGATGGTAAACTCCAACAGTGGTTCGTTGAAGGTCTTGCAAGGACCAA
TGTTGAGTTCTGGCTTGTGTACCGAAGTGTTCAGTTCGACGTTTCATCAACAGCTCCAGGAGCAATAGTTCCA
GCATCTTCCCTTGTCAATACATCTAGAACACATCGTAAGAACGGTACTCATCTTAACAAGGGAAAGAACAGGA
GAATCCTCGGTGGTCTTCCAGTTCCTTAAGTAGATCAAACCTCAACATCACAGAAGAACCTGCTAGAAACCCA
CACAAAGACAACTTTCCAGGTAACAATAATAAAACAGCTTCGTCCATGGTACTTTCTGTGCTCATTGATCCAAG
AGAAGCTGGGGACAGTGAAGTTGACGGTGTGATTACGCCTAAGTCTCTTTCGAGAATATTTGTGGTCTGTGTTG
CTTGACAGTGTCAAGTACGTACATATTCATGTGTTCTCCACGCTCGGGTCTCATCTCGTGTCTACTTAAAC
CTAGAAACCGTTATGCCAATTGATCTAATATACCCACATTTTGTACATAAACAGAACAATTGGCAGGGTTTAA
AGAAATACCTTCTGATGTTGACTTTGAATTTTCTTGGTATGGCTAACTTTTAGGTTTAGCTTTAGTGGTATAGA
CAAGTCTATAATGGACTTCTATTTAGTATAGGCTTTTTGGTTTAAAC

>trans_s_3051 AB218718|Prunus mume Pm15 mRNA for Cinnamyl alcohol dehydrogenase,
complete cds

CGTCATCTGTCAAGCGAGTTGTCTTGACATCTTCTATGGCTGCTGTTGCTTATAATGGACAGCCTCGCAATCCT
GATACAGTAATTGATGAAACTTGGTTTTCTAACCTGAGATTTGTAAGGAACTGAAGCTTTGGTATGTGCTCTC
CAAACTTTAGCCGAGGAGGCAGCCTGGAATTTTGTAAAGAGAAAAGGGAATAGATATGGTTACAATAAACCC
GGCTATGGTTATTGGTCCATTATTGCAGCCAACACTGAATACTAGTGCCGAAGCTATTTTGAACCTAATATCCG
GAGCACAACATTTCCAAATCCACATTTGGATGGGTTAATGTCAAAGATGTCGCTAATGCACACATTCTAGCT
TATGAGGTTCCATCAGCCAATGGAAGATACTGTCTGGTTGAAAGCGTGATTCACTATTCAGGAATTGTCAAGA
TATTGCATGATCTCTACCCTTCACTTCAACTCCAGACAAGTGTGCCGATGACAAACCGTTTACACCCGTGTATC

AAGTCTCAGTTGAGAAAGCAAAGAACTTGGGCATTCAATTCATTCCCTTAGTAGAAAGCCTGAAGGAACTGT
TGAGAGCTTGAAGGAAAAGAATTTTATCAACTTCTAACTTTTAGGTATCTTGAGAGCCATGAAATTGTTTGAA
TTTTCTGACAGAAAATGATTTAAGTAAAAAAGTAAGTGCTTTGTGTGAGGCCCTGAAATTGAACTTTACTCGA
TGACTTCTATGATTTTCTATTAGTTAAGTGTAAATAAAATTCTCCATGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3052 XM_002888799|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphoribosyltransferase family
protein, mRNA

AGATGAGAGCATATCAAATTCATTGTCAATTTGGCCGGTCATCCCAACCTACCCTCGTCCATGGCAGTTCACTCT
CATATTGAGAGAGTGCTCTGGACCCACGACCAAATTTGGGCTCGAGTCTCTGACCTGCCTCCCAAATCTCCAT
CGCCTTCCACGGAGCCTCTTCCCCGCCAGTCTCTCGTCGGCGTCGCCACCGGAGCTTTCATCTTCTCGCCGACT
TGGTCCGCCACATCAATATCCAATCGCTGTTGACTTCGTTCTGTGTCGAATCATATGGTTTCGGTACTCACTCTA
ATGGTGCTCCTACAATCTCATCGGACTTGAAGGTGCGATGTTAAGAACAAGCATGTAATTCTGGTTGAGGATAT
TGTAATACTGGAAATACTTTATCATGTCTCATTGCTCACATGGAGGTAAAAGGAGCATCATCTGTATCAGTAT
GCACTTTTCTTGATAAACCAACAAGACGACAAGTTAATTTTCAGCTAGTAGGCGAAGGAAAGTTCTACTCCGG
ATTCCAATGTCCAGATTATTTTGTGGTGGGGTATGGAATGGACTTTGCGGAGCTGTACAGAAATTTACCATAT
GTTGGCATTTTGAAACCTGAATGTTACCAGTGATTAATAAAACATCTCAGTAAGGGAGGCATTATATTTACTA
TTTAGGTTCAAATACTAGTTTCGATTCTCTCCTTTTGGTTTGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAACCTTTGTTCAATTTAGCCTTTGTAATTACAAAAAGTGATCATTTTCAGCCCTC
ATTTTCATTTTACTTTATTTTTTAAAGATCTTTTTTACAAAAA

>trans_s_3053 U89841|Lupinus angustifolius diadenosine 5',5'''-P1,P4-tetraphosphate hydrolase
mRNA, complete cds

TCGTCTTCTCCTTCGTCTATCATCATCCATCCATGGAGTTCCTCCAGAAGGTTACAGAAGAGGCGTTGGGATT
TGCCTCTTTAATTCTTCTGGAAAAATTTTCGCAGCTTCGAGACTGAACGGGCATGAAATCTGGGAAATGCCTCA
GGGTGGTGTAATGAAGGCGAAGATCTCAAACTGCAGCCAAGAGAGAACTCATGGAAGAAACAGGAGTAG
TTTCTGCAGAAATTATAGCAGAGCTACCCTACTGGCTTTCTTACGATTTCTCTCCGAAGTCAGCATCAGACAC
ATCAAACACTGGGGAGCAAGATACAAAGGCCAGACCCATAAGTGGTTTCTCCTGAAGTTTACTGGAAAAGAC
GAAGAGATAAATCTTCTAGGCGATGGAACAGAAAGGCAAGAGTTTGGGGAGTGGTCATGGATGTCAATTGA
ACAGCTACTGAACCAAGCTAAGAAATCCCGGAAGCCTGTTTATGAACAAGTGATGAAGGAGTTTGGTAACTTC
ATACTTGGAATTGTGGGTGATGATATTCTCTCAAGCAGAGTGAACTTAATTGGTCAATTGAAGGGGTTCAA
ATATTTTATCGATCATACCACGAACATATACCATACGAATCACAGGTTTCATAGAAAATGTTATGCACTCACAT
CTAAGTTTGATTGTTCAAATAAGAGATGCCTTTATTTAGAGATAAGGCAGATATGTTTGATCCTTTTAGAATTT
GAAGTGGTGGATTAATGAAATCTGAGGCCAAGATATTGGAATCAGAACCTTCATTAAATTGTGCAGCTGTAAA
CAAGGATTGCAGTGTCAAATAAGAGATAAAGGGATTTTGATTATANGAAAAA

>trans_s_3054 AY054158|Arabidopsis thaliana At1g53031 mRNA, complete cds

GGGAAAAGAGAGAAGGAATTAAGAGGGTGGATCACGGTTTTCGTTTCGGCGCATCGTCTTCTCATAAACTC
GATTTTCAGCTGTACGATTAGGGTTCCTTCTATTACCACCCGAGCAGCCATGTTCCCAGTTATCAATCCGTAATT
AATTACGTCGCCTCCACCGTTTCGATCGAAATGGGATCGTCGTCCTCGACTTTCCCGGTTATCTGTTTTCTTCATT
CTGTCGTCGCAATCACCAGCGGGACTCTTATGATGTTCTATATGAAGGAGATTTACACAATTGGCCATGGGAT
CGAAACCGCCACTAAGTTAATGGGCTCAACACCACACGATCAGCTCCTGATTTCGTAATACCGATTCTTTTTCCG
GATTGCTCCTCTTCGCAATCGGTTTCCTTCTTTTCATGGTTGCGTTTGTCAAGGACAGGGAATTTCAAGGCTTTT
TCGCCAAGGGGTGTACGGTGCTTCATGTCTCAATGGCGATGTGGAGATTCTACTTCGAGCGGAGGGTGGAGG

ATCTGGCTTGGGATTGGCTAAGGCAGATTGTTGGTGACATTCTTCTTGCTCTATCTTGGGTCTTCTTTCTTGTTT
ATTCCTGGAGAGAAAAATATGATTAGTTTCCGAGTCTTTTGCTTTTGATTCCAAGTTACAAATTGCATTGAGATT
TTTCTGGGTTTGGGTATCTCTGTTCAAAATTGGGGAAAGAAAGCTACTGATTCAAACATTCATATCGCAGAAA
GGGGACAATCCATCCCACTTCCCTTGTTGTGTATGTCTTTCTAATTTTTCATTTCTTGTTGAATGAACAACGTTT
TTCAACTTTAAAAACCGCAATCCCTTCTGTAAATATTATGT

>trans_s_3055 EF555210|Cucumis sativus isolate MIF_1 allopolyploidy-induced demethylated
sequence

AGATTGCTTCGATAGATTTCTGTGTTGATTGCCAATTGATCGGAATGGTAATCGAATTCTGCTGAAGTTTTGGC
AATTCTTTTGCTGTTGTTTCTTCATTTTTTCATATTTTTTAAATCCATTTGAATGTCTCGAATCTGACGCCATGAGG
AAGAAGCTCGATACCCGCTTTCCTGCTGCTCGAATTAAGATAATGCAAGCAGATGAGGATGTTGGAAAG
ATAGCATTGGCAGTGCCCGTTTTAGTTTCTAAAGCATTGGAAGTTCCTGCAAGACCTCTGTGATCGAACATA
TGAGATAACTCTACAAAGAGGAGCAAGACAATGAACCTTTACACCTAAAGCACTGTGTACAAAGCTATAGT
GTTTTTGATTTTCTGAGGGATATTGTTGGTCGGGTCCAGATTATGGTCATGGTCATTCTGATGGTGCTGTTGA
TGATAGAAAGAGGAGGAAACCCCTTGGTGATGAGGGCAATGATTTTGACGAGCTGAAAAAGAGCAAGATGC
ATGACATGAGCCATGGTAGCACTGGTAGAGGAAGAGGAAGGGGACGAGGACGGGGCCGTGGACGACCTGC
TCGATCAGCCGAAAGGGACAACCTACCAACCTAACCTGATGTCGACCCTTGACATCCATAGAGAACAGGAAC
AAGAACCCCAACCCAGATGTGCACATGGAACATCACGTGAGCCTGGTGATACACCAAAAGAAGTTAGCGAA
GCCAATCAAGCTATCCAAAACCTTCGATCTCAATGCCGATGTCAGCACCAACGAAGACTCCAAAACAGTACCAG
CAGCAGCAGTTTCAGATGCCCCCATCGAACCAGCTGCACCTACAACCTACCGAGTC

>trans_s_3056 NM_001053334|Oryza sativa Japonica Group Os02g0462300 (Os02g0462300)
mRNA, complete cds

TTGTTAATCGTTCTTACTGTGTTCAAGTTATGGGGACTCAAATTAACCGAAAGAAATGTTACACGTTACGGCCA
TCCGCAGCTCCGCTCCGAGAAAAATTGGTGGCCGGAATCGAGGCCGGCCGTCCCTGTAATCAGAACCTTCTCC
ATCACCCACCCGCTTTCCTTTCAAACCTGAACTTTTTTTACTTTTCAAAACCAAAATTTACGAATCTTCTCGTTGAA
TTTCATTCTAACCCACTTCACACCCTCAACATTCTCCCGTTTGC GCGTCTTCTTGCTATGTTTCTGCTCTCTTTGA
CTGGGATTCTTGAGATGGGCTGCTCAATTCATATCCTATTACTTGTTTTTCTTTGTTTAGTTGCGCAAGCCCA
TGATTATCCGTCTCCTTCTGTTAGATATCCTTGTGAAGATGTTAATATGTATTATGCTAATGTAGCACAGTTTAA
AGGTGAACCTCTCAAACGTAAGCTAAATTCAATTGTTGCTGCTCATCATTCTTGTCTATAAAGAGGTGCGGG
ATGCCCTCAAGATTCTTGATGCTGCTGATGTAGACAAACCAGAAGCCTCATCAGCAATAGTGGAGATATACTC
ACAAAGGATTGTGTCAAAGTCTCTAGCAGGGAAACCTGAGGGTTGGAACAGGGAGCATTTGTGGCCTCGTTC
TTATGGGCTTAGAAGAGGTCCATCCTTGACAGATTTGCACAATATCCATCCAGCAGATGCAAATGTTTCGTGCA
GTGAATTCTCCCGGGGAAACAAATATTTTGAGAATGCCAAGTTAAATCCCCTGAATGCTTGAAGCCAGCCT
CCAAAGAAGCGGCTTCCAACACTGAAACCGATAAGGAAAAAT

>trans_s_3057 XM_002893469|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAGAAAGAATTGGAAAGTGCAAAGTGCTACATTGTTAGTCCAGATTTGGAAAAGCCAACTCAAGATGTTTTTA
TAGATGAAGAGGGTTGCGAGGAAGATACACCAGATGAAGCTTGGCACCAGAGTGATTGAATAAGAAATCT
GTTCTGTTGAAGATGAAGAGGTCATTCTTTCAATCCCCTTATGAGGTATAACTCTGCTCCAATCTCTATTGCA
GAGAGCGACAATGTTTACCGAAAAGTGTAGAGGCTCGTGCCATATCTCCGACGAATGCTTGAGGCGTGCT
ACATCGCTACTTATAGAACAGACTCAAGGCCAGAGCGATCCATTCTTTTTATTCAAATGCTACAAATTTTCAG
CAGAAACAAACCATTTGAGCAGCATGATATTTTGGAAAAGATGCAACAGGCCATCAAATTCAGAAGCCACC
ATATCTACTGGCCCCCTTCACTTAGTGCCTGGGTGCTCAATAAAGGTTTTACTTTTGACCCTGATAGAGAGAA

AGGGACCAATGGTTTTGTAAACCTGGTTTGCAGCCCATTGACGAGTAACTCCAACGTTTATAAATGGTCATA
GACTTGGTGATACCGAGAATTCTGTTTCGAGTCCGAGCTGCGAATCTAGAAAATCATACCATTTTCCTCCTCCT
CCCTATTCTGCCCCAGCACCTCGGCTCCTTATTTACCTGATGATGCTGTTTGGTTTAATAGTACAAATGCTATC
ATCTCTGATGGAAAAATCTATAAGGAAAGGGACCAAAATGATACTCTCTCCAATGTGTTTCTAGGAAGTACAT
ATTCAAATTGGACTCCCCCTCATGCTACACATGAATATAGTCCCTTGAT

>trans_s_3058 NM_124177|Arabidopsis thaliana GFA2 (GAMETOPHYTIC FACTOR 2); heat shock
protein binding / unfolded protein binding (GFA2) mRNA, complete cds

ACCATTGAAGCTTTTATATTTTCTAAGGTATAGAAAAGAATAACCAAAAAAATCGATTTCCCTCTTCTTCCCA
TTCTCGCTGCTAGAACCTTCCGCCCTTTTCTCTTACTCAATTAGGGTTTTTACAGGGTTTATCGTTCATCAATT
CGCCATCTTCCAACCTCCCATATCACTTCACTCTCCCATCAAACCCCTGAGTTTCAGAATACGCCAACCTCCCT
GTGTTTCTTAGCCCCAAATGGTTCGCTCCGATGGCCTCAAGCTCATCCGTTTGCTGGCTCGACGTTCTTCACAC
ACCACCTCCCTCGCGAATCATCAACCTCTGTAAACGATGCTGTTTTTCGAGGGAGTCATAGGCAATTCCATTAT
GGGGTTTGTAAATAATCTGCTTGTGTTTGGAAATTGCGCTTCAAAGAATGTTAATAAAAAAGAACTGGATTCAATT
AGGAGTTCTTGGTGCTAACTAGGGAGAAGCAAAATTCATTCATGGCACTGCACACACGCTCTGATAAAAAATTAT
TACGATACCTTGGAGTGAACAAAATGCAACTGCATAAGAAATAAAGAAAGCATACTACGGGCTGGCAAAG
AAGCTTCATCCAGATACAAACAAGGAAAACCTGATGCAGAAAAGAAGTTTCAAGAAATCAGTAAGGCTTAT
GAGGTTTTAAAGATGAGGATAAGCGCAGACAATATGATGAGGTGGGGCATGAAGCATTACACAACAAGA
CCATGGTGGCTTCCCTGGTGGTGACGGCGTTTTGACCCGTTTAGTGGAAATGTTTAGGGGATTTGATTTCTCTA
GTATGTTCTGGCAGAACTTTGGTGGAGAAGATATCAAGGTTGTTTT

>trans_s_3059 HM773377|Dimocarpus longan cytosolic copper/zinc-superoxide dismutase (CSD1b-
5) mRNA, complete cds

AGGGGGAATTTTTTTTGTCTTTCTATTTTTCAAGATCAATACAAGACATACCCAAGCAGGTAATACGCAAAC
CGCTTATCATTCGCTCACCCATTAACCGCTAAAATCTTCTGTTAGGCGATAGACTAGTAAAATGAGTGCTCTAA
AAGCTGTGGTACTCATCGCTGGAGGAGATTCCAACATCAGAGGCACCATCCAGTTCGTCCAAGATTCAAATGG
GGCAACCCATGTCAATGGAAGAATAAGTGGACTCTCTCTGGACTTCATGGCTTCCATATCCATGCTCTTGGCG
ATACCACAAACGGCTGCAACTCCACTGGACCTCATTTTAATCCGTTGAAGAAGGACCATGGAGGTCCTGGGGA
TTCAGAACGTCATGTAGGGGATTTGGGGAACATTTATGCAGGTCCAGATGGGGTTGCTGAAGTTTCCATCTCG
GATAGGCTGATTTCACTTAAGGGACCTCATTCGATAATTGGTCGAGCAGTTGTTGTGCACGCGGATCTCGATG
ATCTTGGCAAAGGTGGGCACGAACTTAGCAAGACGACTGGAAATGCCGGTGCAAGAATCGGATGCGGCATT
ATTGGAATTCAATCTTCTGACTAAAGGCGTTGGTTGTGCTGGAAAAACAAACGTATTGAGAAAGATAATTTGT
TATATTCTCTCTTTATTTGTTTAGTCTCGTAGAATCTGCAGTTATAATATGATATTATTAATATCCAAATGTGA
AGTGCCAAAGAAAAATCACTCATGGCTTTGGAAGCCATGCCACATGGTATATAAAACGCCTTAAGTATAAAAG
ATATGGTATAATTTGTACACAAAAA

>trans_s_3060 AF439849|Arabidopsis thaliana At2g31130/T16B12.6 mRNA, complete cds

TCAGATATGTTTTTTAGATAAAAAATAAAACAAACAAAATAAAATAAAACAACCTATAGCCAGTTACAGTAAA
ACCATGAAAGACTGATCATCTTTCATTAAAAATTGAAAATAATATTATTCATCTTGCTACCATCATTCTGAGAAT
ATGATTTTGATTTTATTTTATTTAAGTGATCTGATGATCAACTCATATGAATTGTAATTTAAACAGGAAGATCAG
ATTCTTGGAGTCCTGATGATATTGAGCTTGAACATGGAACAGGCAACATTCAACAAGCAGATGAAACAAAACCT
GGATGAAGAAGCATGTGTCTTAGTTAACCGAGACGACTTACATTTTGATTTCAATGAAGAAGTTAAACAAAGA
CATTACAAGAAGAAGATAGCAGGAGCATTTTCTTTCACAAAGAAGTCAAAGACGAAGCAAGAATACAAAGAG
CTTGCAATGAAACATGGTCATGGCTTTGGTAGAAGCCCAACCACCAAGATAAACAGAAATTAACAGCAGAA

GACGTCTCGGAACTGGATTGGCAGCTTCTCTAAGCTTGGAAATCTGTTAAATCAGATGCCACCATGGTTGTTAAT
AGCCTTGAATGGAGACTGTAAAAAATAAACCCCATCATCATCCCCTCCTTGCTAAGGTGAGAAGTCTTAAAA
AAAAACACAAAGATCAGAACCTCATTGTGCAAAAGCATTGTCTATCTCTTATATAGAAGTGGCAAGAGTCAG
TGGTAGTCTCTTGAGTGTATCATGGGTTAATTACATCTTATATAACCATGTTACTTTACTTGGTAGTTATGATGA
ATGTTTGTGTATGTATAGTCTTTCACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3061 HM122429|Malus x domestica ALF domain class transcription factor (ALF2) mRNA,
complete cds

TCTTCTCTTCTTCTTTCTCCCTCCCCACACTGTCCTCCCTCACAGTCAGAGGTCAAATATTTGGCTGTTTTTTCT
CTTCTTTTCCCTCCTTTTGCTTCCCTCCCCCACCCTCCTCTCCCATGCTTCTCGATCTGTAGTTCATTCTTC
TCTCTCTCAATTCTTCTCCTCATCCTCACTCTCTATTCCACTTCTGCTTCTTCTAATTCTACTTTCAACTTGTGAGC
TTTTTCGCTATGGACGGCGGTGCTCCGTACAATCCACGTACCGTGGAAGAGGTGTTCAAGGGATTCAAGGGC
CGTAGAGCTGGTTTAATCAAAGCTCTGACCACTGATGTTGAAGAGTTCTACCAGCAATGTGATCTTGAGAAAG
AAAATCTTGCCTTTATGGATTTCCGAGTGAGCAATGGGAAGTCAATTTACCTGCGGAAGAGGTGCCTCCAGA
GCTCCAGAACCTGCACTTGGCATAAATTTGCTAGAGACGGGATGCAAGAAAAGGACTGGCTATCATTGGTT
GCGGTTCATAGTGATGTTGGTTGCTCTCTGTGGCATTATTTTGGAGCTAGGTTTGGGTTTGATAAGACAGA
TAGGAAGCGTCTATTTAATATGATAAACGATCTTCCAACAATATTTGAAGTAGTGACAGGGACAGCCAAAAAA
CAAGTTAAGGATAAATCATCAGTTTCAAATCATAGCAGTAATAAATCTAAATCAAATCAAAGCGGAGTTCGG
GACCCCAAATAAAAAATACAAAAGCTGTTCAATCAAAGGACGAGGAAGAGGAAGGCTTGGAAGAGGAAGAC
GAGGAAGAACACGGAGAAACACTTTGCGGAGCTTGTGGAGA

>trans_s_3062 NM_129784|Arabidopsis thaliana rhodanese-like domain-containing protein
(AT2G42220) mRNA, complete cds

ACACTCAGAAGCTCAAAAATGCTTAATTCATCGTCTTTATCTCATACAATGGGAGGAATTGGGCCTTGCTGTTC
AACTCTTCCTTCAAGAAGCAACCCAAGGACATCCTGGTTAACTTTAAGGACTGTTCTCATAGAAGAACCTATC
CAGGGAAACAAGTTCTTCAGAGAAAAGTTGGAATTAAGCTGAAATAAATTTGTCAATGCTGAAGAAGCCA
AAAAACTAATTGCAGTTGATGGATACGTAATCGTTGATGTTGCGGACAAATCGCAGTTGATCGAGCTCACAT
TAAATCGTGTTACCATGTCCCACTTTTCATTGAAAACCAAGACAATGATCTTGGAATATCATAAAAAGGACAG
TGCAACAACATTTTTCTGGTCTCTTCTTTGGATTGCCATTTACAAAACCCAACCCTGAGTTTGTGCAGTCTGTTA
AAGCCCAGCTTTCACTCAAAGCAAGTTATTGCTAGTTTGTGAGGAAGGATTAAGATCCACTGCTGCTGCCGA
CAAGTTAGACAAAGCTGGTTTTGAAAACATTGCTTGTATAACTTCAGGACTCAAATCTGTAAAACAGGCACA
TTTGAATCGGTGCGTTGACCGAATTACAAGATGCTGGGAAAGCCGTTTGGTGACGATCCAAGGCAAAATTT
CAGCTGTATTAGGAACTGTTCTTATCTGTGCATATTTATTATACTTTGTTTCCAGAACAGGCTGAGAAGCTG
CTTCAAATGGCACCAACAAGTTAACTTCCTATATTGTCTAAACATTAACCTTTAATTTATTTTAATTAATTT
TCTTTTAGTTTTAATTTTTGTTTAGATATTTATTCTTAATTGCTGT

>trans_s_3063 NM_113670|Arabidopsis thaliana glycosyl transferase family 17 protein
(AT3G27540) mRNA, complete cds

GGTTAAGCACCATTTCTGTATCCTTCTTTCAGTCATCTCTCTTCTCCTCCGGAATTCTGTAATTGAGAGTTTGGT
TTTGTTTAAACAGCGGCTAGCCATTAAAAAAGCCCACAAACGGCTACAATTTGCGATATTTCCACGATGAAAC
AGAGCGTTTAAATTAACCCATTTCCATTTTTGTTCTGCTTCCGCCCTTTGTGGGGATTTTGTATCTGAGTCT
CTAGGATCTGATTTTTCGAGAGAATTTCTGGAATTTCCGGCATTTTTCGACATTTTCTACTATTTTCTTCATC
ATGTCTGATGGGTATTACAGTTCTAAGAAGACAGATGATATCTGTGAAGACGTTTGTGGCCAGGGGCCTCGA
GGTGCTTTCAGCTTGTCTAGATTTGATGTATTCTTCGAGGTTGGGATTTGAAGACATTAATTTCTCTCTTTGTA

GCTGTTCCACTCTTGATTTTATTCATATATCTTCATGGCCAGAAGATTTCTTATTTCTTAGACCTATTTGGGAGT
CTCCTCCAAAGCCATTTTCATGAAATCCCTCATTACTATCATGAAAATGTATCAATGGAGTCTCTCTGTAAGCTTC
ATGGTTGGACAATGCGCGAATCGCCAAGAAGAGTCTTTGATGCTGTTCTGTTTAGTAATGAAGTTGACATCCT
GACTGTCAGATGGAATGAACTTTATCCTTATATGACTCAGTTTGTGCTTCTCGAATCAAACCTCGACGTTCACTG
GTTTGCAAGAGCCGTTGGTTTTGCAAACAATCGGGAACAGTTTAGCTTTGTCGAGTCACGGTTGACTTATGG
GATGATAGGGGGGAAGATTTAAGAAAGGAGAGAATCCA

>trans_s_3064 Novel Gene

TTGTTGTTGTAACAGGGGAAAGCTATTGAGCTTCAAAGTTCTTCGATTCTACATTTTTTTTTCTCTTTTTTTTTT
TGTTGCTTTTTCTCTCTTTACTCATACCTTCCTTCTTCTTCTTCTTCGCACAATTTATATTATCAACCAGTT
TTCTCTCTATGAAATTCTACTTTCCCCCAATATGTTCAATTTTGAAGATGAACTCATAATTCAACCAGGAATTC
GTGGTTAATCTGGATTGAGTTCTTGTTATTCTCCTCCTCTTCTTCTTGTGCTTACAATTTTCGCTATTGATT
TCTCAAATCTAGTACTGCTGATTTCAACTCCACTGCTGCCATTGCCTCCTCCTTCCACTACTCGTTCTTTCT
CATTCTGCTCACAACGGGAAGAACATTCTCCTAACCCCAATATCAGGATTGGCCCTAATCCACCGCGTAATAC
GCAGGTTGCTAACGATCAAAGCACCAGGGGGGAGATAACAAGTAGTACGAACAGGAGAATCACACAAGTGG
GAGAAGGCACTGTAATAGGAGGAGAAGGCTCTCAAGAAACCAAATTAGATCCTCATCCTGTAGTTATTTAG
GCTTGCTAAATCAGCTTTTCTCAGATGCCTGGGGTTGGACTCTTCAAATGAGAACTCAATCTCAGATGAAAGAC
AAAGAAATGAATCAAGGAAATCCAAAGAAAGTTGATGTATGCGTCACTTTACCCATTAAATAAAACTGTATGC
ATTATATTTGTTAGGTAGTTGTGTCTTTTACTGTAATACATCTTTAAAAGCATTATGATTCTCATACCGCATAA
GATATCAAAATTGATTGATTTCATCCAAATACAT

>trans_s_3065 X66826|S.tuberosum Amf locus, Waxy locus DNA encoding pseudogene similar to
beta-1,3-glucanases and beta-1,3-1,4-glucanases

CAGTGAAACGTGCTTTGGATTGCGCTTGTACGCAAAGTAAGGGTACGCATTGATCAAGAACGGGGAGCCGAT
CTTGACATGGAAATCCAAGATTGGAACCGAGCAATCAAAAGTCCCTACGGAAAACTCCGGCGGAAGGCGGAT
AGGAAGTTTCAAGTATTGGCAAAGAATGTGCCGTCGTCACCGCCACCTGCTTATCTAGCCCTAGATTTACGAG
CGCCGTGTGCACGTTTGCATCGCCGCTAGTAAATTAGCAGTTAGAGAAGTGTCAATTGAAGGTTAATACCGCA
TTGCCGACGAAGATTGAAGTGATCTTAGTACCAGGGAAGTACGCTTGAACATTATTCTTCACCCACTCTCCGC
ACAGGCCGGATTCTTGATTTTAGACAAGTACTCGTTTCCAAGTCCGACTATAAACTCCACACTCGTATTAGCAA
ATGCCCCGAAGAACCTTCGGACTCGCATCGTACAGCTTCACCTTTGTAGCTCCAATTGATTTACCAACGGGATC
ACATTCTCCGGAGCAGGAAGATTGTTGCTATCTGACCGTAGTTCACTCCAAGTGAAGTCAACATAACAGGCA
GCAGCAACAACAACCTGAAATCTGAAGTAGAACTAACGAACCGCATTGCTTGAATCCGAACCTTCTCAGCTC
CATGTAGCTAAACTTCAGTAGTCTAAGTGAATTCGAAGTCGTAAATGTCAATCACTGCACTGAAGAGTGAA
GGCGAGGAGGGATCTAGCGGTAGCACAGAAACGCCGTCGTCAGAAAAGTAGTTGGCGTACCGGCCGCCGTA
TAATTAGAGTGTGGACAGAGAGTGATTGTGCGGAGGAGTTAAGGTGAAGAGCCGT

>trans_s_3066 NM_001112334|Zea mays protein disulfide isomerase8 (pdi8),
mRNA gb|AY739290.1| Zea mays protein disulfide isomerase (PDIL2-3) mRNA, complete cds

AATTCTAGAGGGTTTATCAATCTCAGCGCGCGTGTTGTCGAGAGGTTTCTGCCTTGATCCACAAAAACATCA
ATAACGAGAGAGAATGAGAAGTAATCGATCTCCATTTTAAACAATCCTACTTTTAAATCTTCTTCTCGATTGCA
TCTCAGTAACGCACTCTATGGAGCATCGTCTCAGTTCTTCAACTTACTCCTTCCAAGTCAAGTCAAGGTTTT
GAACTCAAATGGCATCGTTCTAGTTGAGTTCTTGCACCTTGGTGTGGTCATTGTCAAGCTCTCACGCCTGTTT
GGGAGAAAGCGGCTACCATCTTGAAAGGAGTTGCAACAGTAGCAGCACTTGATGCAGACGCCACAAGTCAC
TTGCTCAGGAATATGGCATTAAAGGATTCCCAACCATAAAAGTCTTGCACCTGGAAAGCCTCCAGTAGACTA

CCAAGGAGCTCGGGATGTTAAGCCCATTGCAGAATTTGCTTTGCAACAGGTGAAGGCTCTGTAAAGGAACG
TCTAAATGGAAAAACAACCTGGAGGTGGGTCAAATGAGAAATCAGAACCTAATGCTTCAGAAGAATTGAATTC
TCGCAACTTTGATGAGTTAGTGATAAAGAGTAAAGATCTCTGGATTGTGGAGTTCTTTGCTCCTTGGTGTGGA
CACTGTAAACGTTTGGCTCCAGAATGGAAGAAGGCTGCTAAAAATTTGAAGGGGAAGGTGAAATTGGGTAC
GTAGATTGTGATGCTGAGAAGTCTCTAATGAGCAGGTTCAACGTGCAAGGATTCCCTACCATCTTGGTATTCTG
GTGCTGACAAGGACAGTCCAATTCCATATGAGGGTGCAAGAACAGCATCAG

>trans_s_3067 NM_122568|Arabidopsis thaliana LON1 (LON PROTEASE 1); ATP binding / ATP-
dependent peptidase/ serine-type peptidase (LON1) mRNA, complete cds

AGCGCATTTCACAACCAGACACCAGTAGGAGTTGTGATGGGGCTTGCTTGACCGCCATGGGAGGTTCCACTCT
CTACATAGAAACAACCTCAAGTTGAGCAAGGAGAGGGTAAAGGTGCTCTCCATATAACTGGTCAGCTTGGAGA
TGTTATGAAAGAAAGTGCTCAAATCGCTCACACTCTTGCCCGAGCGATATTGCTTGAAAAAGAGCCAGACAAT
CCTTTCTTTGCGAATACCAAGCTTCATCTTCACGTTCTGCTGGAGCAACGCCAAAAGATGGGCCAAGTGCTGG
TTGACCATGATGACATCTCTATTGTCACTTGCCATGAAGAAACCTGTCAAAAAGGATCTAGCCATGACTGGTG
AAGTAACCTTGACTGGAAAAATTCTTCCAATTGGTGGGGTGAAGGAGAAAACCATAGCTGCAAGAAGAAGTG
AAGTAAAGACAATAATTTCCCTTCTGCAACAGGAGGGACTTCGATGAGCTTGCTTCCAATGTGAAAGAAGG
TCTTGATGTTCAATTTGTTGATGAGTACAGCCAGATATTCAACCTTGCAATTTGAGGACAAATCAGAGTGAAAA
AACATAAAGTTTTGACATTTGATGATCATATACTTCTGGATTTATCATCCATCTGTCTGGGTTTCTTCACGACTTT
ATTTTGAGAACTACCTAGTATATTTATTATTGTTTAAATGTCTCATTGATGGAGGGAGGCTTTGATTTTAAACA
TCACCCATTTTTTTCACCTATTCTCTCGTCTCAGTGTAATATTTATGAACATTATTTTAAATAAATATAGATCAA
TCTTTTCTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3068 AB040543|Glycine max copz2 mRNA for nonclathrin coat protein zeta2-COP,
complete cds

AAGCTGAAGCGTTTGTTAAATAGAGATCCAAAGCTGAAAGCCATTTCTCCGTCTCTTCAACTCCTTTGCACTT
CACACACAAATCCTTGTTCTTCAATCTCCTTGCTTGCTTCTCAAATCATGGAGTCTTGCTTCAATAAAAAA
TATTCTCTGTTGGATTCCGAGGGGAAACGTGTGGCTGTCAAGTATTACTCTGATGAGTGGCCAACAAATAGT
GCAAGGGAAACTTTGAGAAAGCTGTCTTTAGCAAACTCAAAGAGCAATGCTCGAAATGAAGCGGAGATT
GCAATGTTTGAAAACAATATTGTCATTTACAAGTTTGTGCAAGATCTACATTTTTTTGCTACTGGTGGGGAATA
TGAGAATGAGCTTATTTTGCAACAGTTCTTCAGGGATTTTCGACGCTGTTGGCCTTCTCCTTAGGGGTCACG
TGGAAAAGAAGGAAGCACTTGAAAACCTGGATCTTATTCTGTTGTGCTTGATGAAATTGTTGATGGAGGTAT
TGTTCTTGAGACCGATGGAAATGTCATTGCTGGGAAGGTTGCAACTCAAAGTATAGATTCTTCAGCTCCTTTGT
CTGAGCAGACAATAAGTCAAGCACTGGCCACTGCACGAGAACATCTGACGAGATCTCTTCTACATAATACAA
ATGCTGATGGGAAGGAGCATGGAGAAAGTATCTTTATGGCAGTATCCTTCGATCCGGCTATAAAGGTCCTATA
CGACACTTCATATTTTATTGGAGTTGCTTTTTTTTTAATTTACATGGACTATCTCTCGCCACATTGGATGTTCCAG
CTTAGTTGAACGAGGAACCTTTTCTTTTACCATTTTCCGATAA

>trans_s_3069 AY850394|Lycopersicon esculentum cultivar Heinz1706 chromosome 12
centromeric region

AATGTTCTAATCAAATTTTAATCAAACCCTAAATTATTTCACTAATCTCTCTCTTTCAAAGCAAAGAACCTCAA
CAAACACAGCTTATAAACATTATAAATCCAACCTCAATTTCTCTATGTTTCCTCATTTCCATCTTTATTTCTTTTCGG
TATTGGATAAAACAAAAAATTCAACCAATCAATCAATTACCAGAGCTATGATCCGTAAAGAATCAAGATCCAC
GGAATCGCTATGTGAGAAGTCCATGTTGTTGGTAGCGAATTTAATCAAGCTTTCCAGTTCCATTTCTTTTCGCTA
AGACGGCGAATAATGAAGCGGCAACGCCCTGATTCCGGGAAGTAAACGGCTGCAGGAGCCGCAGAGTCGA

GCGAAGCCGATCTACGTCACGAAGCCGGGCGGAGGTGGCTTCCAAATCGGACATGGATCGCCGTCGCCGAG
GTATTCAACATCGTCTTCTTCTGTGATTTATGAAGAGAGTGATTTTGACGAGGCGAATGTTGATGGTTGGG
CGTCTGAGTATATAGAGAAAGTTCATAAGAACAGGAAGGATTTTGAACAATCGACGATCAAGAAGCCAAAAT
CAATGGCTAAAAGTCGATTTCTGTAGAACCAATTCCTCTGTTCTAAATTAGCTATAGCTTCTTCCCCTTATCTTCT
TTGAATTTTATCACTTTTTTCTTTAAATTTACGTAAGTGATGGCTCATTACTATATGTTCTGCTTCAAGTTCCACC
ATTTTAGGGGTTGGGATCCCATTTTAACTCTCTAAATAANGGTAATAAGTGTTTTATCTATTAGATTACGATTAA
ATTAGTCTTAATATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3070 NM_111213|Arabidopsis thaliana Ku70-binding family protein (AT3G03420) mRNA,
complete cds

AAATTGGAACCTTAGAGAGTAAACATGGCGGAAGAATCCACGCCGGAACCTGGATCAAATCGCTCGTATTCTT
CCGTCAACGGTGGCCGGACTAAGGAGGAATGCGAGGATATGATTCGTAGAAGTCTCCGAACCTCCGATGGTGA
AGTTCTTGATGGAGCACTTGGAGAAATCTGGATGTGGGATTGGGGATAGGTTTATTAAGGCTGTTCAATTGCG
AGAAGCAGATCAGCGGTGGTTATGTTCTGTTGAAGGGATAATGGTGTGTAGTAATCACATGAACATTCAAG
ATGAGGTGAACCAAGTAGTAATTCATGAGCTTATTCATGCTTTTGATGATTGTCGAGCTGCAAACCTGGATTG
GGCTAATTGTACTCATCATGCTTGCAGTGAGATTCGTGCTGGACATTTAAGTGGTGATTGCCACTATAAACGA
GAACTATTGCGAGTTTCATGAAATTACGAGGCCACGAGCAAGAATGTGTGAGAAGAAGAGTCATGAAATCA
CTGACGGCTAATCCTTACTGCCCAGAACCTGCTGCAAAGATGCCATGGAAGCTGTATGGGATATTTGTTATA
ATGATACACAGCCATTTGATAGAGCTCCCTAAACTTGGAAATATCGTCATTTTCATCTACCAAGAACAAAGCAGC
CACTGCTCCTAATTTAATGGTGCTGTGCCAAAATGAACAACAGTTTTCTCCCAAGTTTTGGATTGCTTACATT
TTGGAGAGAATTTATTTGCCTCGAGCAGTTTGATCGTAATCGATCGATGATTTTATTCCGTTATAGACATTCCC
ATTTTTGTTGCTTCTGATTCCATACCCATTTATAATAGATAAACTTATTGGAT

>trans_s_3071 XM_002874063|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acyl-activating enzyme 17, mRNA

AGAAAAATTCAATTCGATTATTTCAATTCGATTGCTTACTTGATGAACCAACCATCTTATGATCATCC
ATATTGGTTCAATAATTAAGCAAATCGAATCGTAAACAGTACGTGGAAACTCTTGTTCAAGGTGGTGTGTAAC
GGTTTCCCTTTAGCAGTTATCTCTCTATATCACCATGGATTACAAAGCTCTGGATTCCATTACTGTGATTGA
TATCGAAGCTCTCGGAATTGATTCTGAAGTTGCCAAGCAACTCCATGGAAGTTTGGGGGAAATCATTGTAGT
TATGGGAATGGCACTCTGAGACTTGGCACCATATATCCAAGGAAGTGCTTAGCCCTGACCTTCCCTTCTCCTT
TCATCAAATGATGTATTACGGTTGTTACAAAACTTTGGTCCTGATCCGCTGCTTGGATTCTGAACCGGAGA
ATGCATTGTTCAAAATGTCGGCAAGCTATTGGAGAAGCGAGGCAAGGAATTTATGGGGTCAAGTTATAGCG
ACCCCTTATCAAGTTTCTCCTTTCCAGGAGTTTTCGGTCTCAAACCCCGAGGTCTATTGGAGAAGTGTACTAG
ATGAGATGAATATAACATTTTCTAAGCCTCTAACTGTATCTTGCAAATAAATGATTCTCCAGAAAGCAAAATT
TCAAGCCCGGGTGGCCAATGGCTTCTAGAGCAGTGTTAATCCAGCTAAAGATTGTTTGTCTTTAATGAGAA
CAGAAGTTTGGATGATGTAGCAATCATATGGCGTGATGAAGGATGTGATGATCTGCCTTTGAAGAGATTGAC
ACTCAGAGAACTGCGTTCTGAGGTTAGTTGCACATGCTCTCAACT

>trans_s_3072 AY065281|Arabidopsis thaliana At4g23330 mRNA sequence

AACCACCAATGAATTACTAAGAGAAGCGCTTTGGTGGAGCAATGGCCTGGTCCTAATGGGAACTCAAAGAA
ACCCAATTTTCAATTGATTTTCAAGACTCTTTGAGAAATGGAGCAATCTCCGGCGGATTCTTCCACGACGAGC
ATCGAAACTGAATGTCAGATTCAGCGACATCTCAAATTCGACCACTTCTTCTGACGTTGAAGATTGCACCAA
AACCCAATCTTCTTTGAGCCAAACCCAGATTCTCGAAGCCATTGAAGTCGTTGAGAAGGATTCTCTCGCCATTG
CTGAGAGCTTCACTCTCTCTTTGCTTCCCTGCGCTCGGTCTCTCCGAGGTCACCAGCAACTCTATTGATCATA
TGCATTGCTTCAACGATGCAGCAGGCCGCTTCAAGAATCTGTGCTTGATGCGGCAACGAAGGGCAATCGATA

CATTAATTCTTCCTTGAGATTAAATCAGGAAATGAAAGGCATGGATAATCTAGCTGCTCAGCTAAAGGTTTTGA
GGAAGAATGTGGATGAACTTGACTTGGCTGTGAACAAGCTCCTTAATTTTCCATGAGCTCCGCTTGGTCGTAT
CGTCGCTCTTGCAAGCTTAAGGATTTTTGTTTTACCAAAGAGAAAAATACAGTTCATGAAGAAAAATATTCATT
CCATAGCTTCCTTCACATTTTACTCTAGGAAGCATCTCATTGCATGTTAGGTTCTTTGATGTATTTATCCAGAAA
TAGATTTTCTTGATCGCTTAATAATGTATACTGGTTTGTGGTTTCGATAGTTATAAGGGTCTCTTTTCCTTGGAG
GCTATTCAGCTTTTGAGAGTTTTGTTTCATAGACGCTATATATT

>trans_s_3073 AF106845|Oryza sativa U2 small nuclear RNA genes, complete sequence

ACGTCGATTGCATAACATCGGAGTGCGGACACTCTCATCTTGCGCTTCTCGTACCTTCTAAAACCCATATCTCAT
ATTGAATATACAATCTCTGCTTCTGTGATATTCAACTCATTGGCCTCTGAGTTTGCGGAAGCTTAACTGCTGAA
AGTTGTAAAATACATATGCGTGGTGCAGCTGCCTTATTGACTGTAAAGAACAAACCTAACTGATCCATCCTAC
GAAAGGATCATGGGGTAGTCTGACTTCCACAGTACAAAGGCAAGGAATGAAGAATGATTCTGAGGGGAGAGT
CTGTGGTTACAAAAGAGAAAGCTGACCCAATTGCAGCGTTCAGCAAGCCTCCACCACTCCCCCTCTTCTTGGT
CCATTGGCTGTTCTTTTATTGTTAGAAACATATTTGAGTCCTGATGGAAACGATGACTAGAAGGGGATGTTTTG
TAATACCTTTCTCGGCCATCTGGCTAAGGTCAAGTGTAGTATCTATTCTAGAAGGGGATGTTTTGTTATACCTTT
CTCGGCCTTTTGCTAAGATCAAGTTGTAGTGTCTGTTCTAGAAGGGGATGTTTTGTATGTTACAAACTCTAC
CATGTCCATGACCCCGCTGTGGTTATGTTTGATATTTCTTTATTTGTGAAATGAAGTAAAAATAAGAGTACAT
ATAAAAAAGTGGAGACCCAAAACGTGTAAGGGTTATAAAGATTAGAATCTTTGGATAGGGCTTGCAAATGCT
CCAGATCTTTTTTGTATACACGAGATTCTATTAGTCAAGGATGTGTAAGAACTGCGTTTCAGTGTTGTACCTT
ATAAAGTTGGAATTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3074 NM_114450|Arabidopsis thaliana ferric reductase-like transmembrane component
family protein (AT3G45810) mRNA, complete cds

CTTCAAAATCAAGTAAGAAATATCCCCAGATTTTAATCAAAGGACCCTATGGAGCCCCAGCTCAAAGTTACAA
GAATTATGACATTCTATTGCTAATAGGCCTTGGAATTGGGGCTACTCCAATGATCAGCATTTTGAAAAGATTAT
TAAACCATATAAAAAAAAAAGTGGCTCCCACGCTACTGATGCTCAAAAGGTCCCAAAGAGAGCATATTTCTATTG
GGTGACAAAGGAACAGGCATCGTTTGATTGGTTTAAAGGCGTCATGGACGACGTTGCTGAGTATGGTCATGA
TAAAATAATAGAAATGCACAACCACTTAAGCTGCATGCACGAGGAAGGAGATGTGCGATCCGTGCTCATCACC
ATGCTGCAACAAATTCAGAAATCTAGAGGTGAAGAAGTGGACGTTGTCTCAGGAAGCCGGATAAGGACTCAC
TTCGGAAGACCGAACTGGGAGAAAGTTTTCGCAGAGTTGGCATCCAAACACAAAAGTTCCGAAATAGGTGTA
TTTTACTGTGGAACATACAGTCTTGTAAGGAATTACGTGGTCACTGCAAGAACTTCAGCGATAGTTCAAGAT
CAACAAGGTTTCGTTTCCACAAGGAGAACTTTTAAAAAGAAGTTATAAACTAAAGGTATCATCTTTTAGATTG
AATCTTTCCACTTGTAAGCTGCTTGGTTTTCTGCTCAAAAAGTGAGGAGAAAAAGGAAGAAGAATGCTTTAA
TTCCACTATCCAGCGTAGCAATTCGTGCAATCTCCCATCAACTTTGGCTGCTCTCTAATAATTGTTGTCTAATTG
AAATCGATTTCTGTAAGGATAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3075 NM_179402|Arabidopsis thaliana NF-YA7 (NUCLEAR FACTOR Y, SUBUNIT A7);
specific transcriptional repressor/ transcription factor (NF-YA7) mRNA, complete cds

ATACACGCGGCGTAAACCAAAAAACAAAAGAAAAGGTTAATATGGGATGAAACACAAATATGCTCTTATTG
GATTCCGAGCTGCCTCTGTCCCCTCTACTCGCGCTAAGAAATCAACCTGAAGAAGAAGAAAGACGACGACGAA
TAACTGCAACGAAACACACACACTCTCTCCTCAGTTCGTTGCAGCTGAAGCACTTACGATTTGCGGGGTG
ACAATCCAACCTACCCCCCCCCCCCCCTTCCACAATTCCCACTTTCCAGGTTTCATTGTTGTGCTACTAACC
ATGACTTCTTCCGTCCACGATTATTCTGATAATGGTGAGGCTGATGAGCAGCGAAAGTACTCTGAATCTCAGA
ATCATTCTTCATCAGTTATAAATGGACTAAATCAACCAACCCCAAATCAGTATGTAGCATCTCCCAAGTTGGG

GCAGGACATTCTATGGTACCCCTGCTTATCCATATCCAGATCCTTATTACAGAAGCATCTTCACTCCCTATGAT
GCTCAACCATATCCTCCACAGCCCTATGGTGGGCAACCTATGGTTCATCTTCAATTAATGGGAATTCAGCAAGC
TGGGGTTCCCTTGCCAACAGATGCAGTTGAGGAGCCTGTTTTGTCAATGCTAAACAGTATCATGGCATTTCATG
GACGCAGACAGTCCCGTGCAAAAGCTGAATCAGAAAATAAAGCTCTAAAGCTAGGAAGCCATACTTGCATG
AATCTCGACATCTACACGCGTTGAGGAGAGCTAGAGGTTGTGGTGGACGGTTTCTCCAATCAAAATAAAACG
AAAATCATCAAAATGAGGTGGCGTCAGGTGATAAATCACAGCCAAATA

>trans_s_3076 AJ223499|Brassica juncea mRNA for ATP sulfurylase

AAACCCAGTACATAACGGCCATGCATTACTAATGACTGACACCCGCCGTCGACTGCTTGAGATGGGATACAAG
AACCCCATTTTGTGCTTCATCCTTTGGGTGGCTACACCAAGGCAGATGATGTTCCACTTAGTTGGCGAATGAA
ACAACATGAGAAGGTGCTCGAGGATGGTGTCTTGATCCAGAAACAACAGTTGTTTCCATATTTCCATCTCCAA
TGCACTATGCAGGGCCAACTGAGGTTCACTGGCATGCAAAGGCAAGAATTAATGCAGGAGCCAACTTTTACA
TTGTTGGACGCGACCCAGCTGGAATGGGTATCCTACTGAGAAAAGGGATTTGTATGATGCGGACCACGGGA
AGAAAGTGTTGAGCATGGCACCTGGACTAGAGCGGCTAAACATCCTTCCTTTCAGAGTTGCTGCTTATGATAA
AACTCAGGGCAAGATGGCCTTCTTCGACCCCTCTAGAGCTCAGGATTCCTTTTCATATCCGGCACCAAGATGA
GAACATTAGCAAAGAACAAAGAGAATCCGCCAGAAGGCTTTATGTGCCAGGTGGATGGAAGGTGTTGGTTG
AATATTATGATAGGGGGGTACCTGCAAGCAGTGGCAGACTTCCTGAACCTGAAGCTGTTCTGGCGTAGGCTTA
GGGTGTTGTATCACGGAAAAGTATTTAACTTTTGAATAACAGTGCCTGTGATGAATAAGATCATGAGGCGA
TGGTACAGAAGCATTGCATGATTTGCCTCTTTGTAAATTAGATGCATTCACCGCATCTTTGGGTTTGGTAAACA
CAGCATATTGTTTATTAGTGTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3077 NM_001070351|Oryza sativa Japonica Group Os09g0541700 (Os09g0541700)
mRNA, complete cds

ATTTTCACTTCCATTTCTTCTTCTCCTTTCTCGAATCACCTTCCCAACTTACGATCTTTCTTCTTCTTAGTTCTTC
CAACCTTCAATCTATGGCGGTTGCTCGTTGCTTCCTCCCTTTTCTTCTTGAACCTCAAAGCATCCACTCTCTCCT
TCCATTTTCACTTCTTCTTCTACTGATTGTTCTTCACTCTCGCTTTTCTTTCGGATTATCGTCGCCCCCGAGGTTT
TAAGCCCCCAATCACCACTCTCTGCTGCAAAATGATCCATCGCGTAAAGCCAAGCCACAAGATTGAGAAGCA
ACATTAGTTGCCGGCTCCTTCACTGAATTTAAACACCTGCTACTGCCAATAACCGATCGCAATCCATTTCTTTCC
GAGGGAACGAGACAGGCTATTGCTACTACTGCTGCTTTGGCAAAGAACAATGGGGCTGACATAACAGTAGTC
TTGATCGATGCAAAGCAGAAAGATTGATTCCAGAACACGAGAACCAACTCTCGAGCATTGTTGGCATTGT
CTGAAGGGGGATTCCAAGAGTTTAAATTGTTGGAGCGATTAGGGGAAGGAAGCAAGCCAACAGCAATCATT
GGGGAGGTGGCTGATGATCTGAATTTAGATTGGTAGTTCTAAGCATGGAAGCCATTCAATCCAAGCATGTGG
ATGCTAACCTACTGGCTGAGTTCATTCCATGCCCTGTTATGCTCTTGCCGTTATGATTTTTGTATAATTTGAGTT
CTATGCCTCAGCCATATCATACTTATGCTTTCTTTAACAATATACTGAGTGTACTTGTGATTTATGTATATATTAT
AAAGTGCTTTTGGAGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3078 AB025029|Nicotiana tabacum PCNA mRNA for proliferating cell nuclear antigen,
complete cds

ACTTCTTCTTCTCGCGCTCTCTCTCGAAACCCTAGTCAGCCCCATCCCTAGCTCTGCAATTTCTCTCAAAAATGTT
GGAGCTTCGTCTTGTGCAGGGTTCTCTCCTCAAGAAAGTCTTGGAATCGATCAAGGATTTGGTTAACGATGCC
AACTTTGACTGTTTCGGCCACTGGATTCTCGCTCCAAGCCATGGATTTCGAGCCATGTTGCCCTGGTTGCTCTTCT
CCTTCGAGCGGAGGGCTTCGAACATTATCGCTGCGATAGAAACATTTCCATGGGAATGAACCTGAATAACATG
TCGAAAATGCTCAAGTGTGCTGGTAACGATGATATCATTACGATCAAGGCCGATGACGGCAGTGATACTGTCA
CTTTCATGTTTGAAAGCCCTACTCAAGATAAGATTTTCGGATTTTGAGATGAAATTGATGGACATCGACAGTGA

GCATCTTGAATTCCAGATGCAGAGTATCATGCTATTGTTAGGATGCCTTCTGTTGAGTTCGCTAGAATATGCA
AAGATCTCAGCAGCATTGGTGATACCGTTGTAATTTCTGTGACGAAGGAGGGTGTAATTTCTCAACAAGAG
GTGATATTGGATCTGCCAATATTGTTTGCAAGGCAGAATACCACAGTAGACAAGCCTGAAGAAGCAACAGTTAT
AGAGATGAATGAGCCGGTTTCTTTGACGTTTGCTTTAAGGTATATGAATTCCTTCTACTAAGGCAACGCCCTTT
CAAACACGGTCACCATCAGCTTGTCTCTGACCTACCTGGTGTGTCGAATACAAAATAGCAGAGATGGGATA
TGTAAGTTTTACTTGGCTCCCAAATAGAGAAGATGAGGATGAGACAA

>trans_s_3079 NM_106451|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related
(AT1G78020) mRNA, complete cds

TTCTCATTGCTGGCTCTCTTTATCTTCTCCTTCTCCACTTCCCCCTCCCTTCCCTTCCCCTCCCCTCCCATCCCC
TCCCCTTCGCTTCTTCAATTCTTCTTCTCCAAAACCAACAACCGGTTTTCTTTTTCTTTTTTATTCCGGCTGGT
TTCTTTCTATATATTACAAGTATGTCTTTGGGGAAGAGGTCACGTGCTCCCATCAGAAAAACGCCGAGCATGA
CTGAGATCACCTTCGATCTCGGTGGTACTGGCTCCGCCGCCGAACAATTCCCCCGTCCCTCGGTTATCCGACT
AACACCCAAATATCTGGATACCAACAAATGCTTTCACCAAGAAATTCAGAAGGCATTTCAGTTGATCTACAAGA
AAACGCTAATTTCTCAGAGCTTGTCTCTTTGCTCTCGCCCTCTTGTTCCTGGTCGAGATATTTACATGTACAG
GGGAGACAGGGGATTCTGTAGCGACGAATGTAGGCCAAAAGCAAATGAAGCAAGATGAGAGAATGGAGAAG
TGCAGTTTAGCAACAAAGAAAGCGGCAGCGGTGGCTGTGGCGGTGGTATCTACATCGGCTGGTGTTCACCT
CAGATCTCCGGGAAGGGAGAAACCGAAGCTGCTTCATAGTGTTGATGGATTGTATCTCTATCTATGTTCTC
CAAGTAAAAATAATTCCCTGAAAAAATTCATCCCAATTTTCCAAAACAATTAATTTTTCTTCTTTCATTAATGG
CAAAGGAAAAGGGGATTAAATCCTTTTCACCAATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGACC
TATTTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3080 AY714983|Medicago sativa homogentisate phytylprenyltransferase (Hpt1) mRNA,
complete cds

AGTGCAGAATTGGGAAGAGAAAAGAGAGATAAGCAGACAGATGAGAGCGGTCTACGTGAGAGATGGAAAG
GGAGGGAGATAGCAAAAGGCGAGATTAGCCATTCTGAGGAAAGTTTCAAAGAAGTTGGAAATGGGAAATCA
ACAATCGTTATCTTCATAACGCAGTTGGTGGGATTGGAAACGGGTGGACGAGTAGTGACGTCAACAACGTTC
GGCTTCCAAGTCCAAGGCCTGGAGCATTGAAGATTCTAAAAAGCACTGTTGTGTTGAATCTGAATATGGATC
ACATCATTTTGAATGTGTTTTTGAAGACATCGGGAAAGATACACCTTCTATGAGAAAAAGATGACAGAGTC
CAAGTTAGAAAAGCAGCCTCTAATCAGCCTTTTGAACTGAATCCGGAGCCTTGAGTTCCAAAATTATGGTG
ACGCTTTAAGGAGTTTTTTAGATGCTTTTACAGGTTTTCGCGGCCGCACACAGTTATTGGTACAGCATTGAGC
ATTGTATCAGTTTCTACTAGCAGTGGAGAACTATCCGACTTGTACCATTAATTTTAACTGGAGTGTTGGA
GGCTATAGTTGCGGCCCTCTTATGAATATTTACATTGTAAGTCTGAATCAATTATTTGACATTGAAATAGACA
AGGTACTTCTGTTGATTCTTTTCCACGAGCATATTAAATTTGGCACACTGAACATAATTTTAGAGGACTTG
AGAGTGGATCACATTATATGTGCAGTCATGGGTTAGAATCCATTTTACATTGAAGGCATTCTTGCAGAACAC
CATGCCCCATTTCTGCAGTGTTCTCCTCATTGGGCACTTTATCATAATCTTTA

>trans_s_3081 NM_115218|Arabidopsis thaliana diaminopimelate epimerase family protein
(AT3G53580) mRNA, complete cds

AACGATTCCGGCTTCTCTGCTGCTTTCATTACACCGAAAGCGGGAAGTTCATACTCCGACTCCACAGCGCCGC
CATGGCCATAGCCACCACCATTTCTTCTCACTTACCTCACCATCGTCACGCTCTCTTGCTTCAATTCCTTCTCTC
CGATTGTCTTTTACTTCTACACTTCAACTGGATTCCCTTCCGAAGTACTTCGCTCGGAGAAGAAGCCCTAGGCT
CTCCGTCTCCGCTCTTCCGCTGGCCTTGAAGTTACAGAGAAAGCGCCGTCGTTGTCTTTCTTGACCACAGAG
AGAGTGGTCTCCTTCACTTTGTTAAGTACCACGGCCTCGGCAATGACTTCATCTTGGTTGATAATAGGGACTCG

TCAGAGCCTAGGATCACCCCGGAGCAAGCTGCTAAGTTATGTGATCGAACTTTGGGATTGGTGCTGACGGT
GTCATTTTTGCTATGCCTGGCGTTAACGGTACTGATTATACTATGAGGATATTCAATTCTGACGGTAGTGAACC
GGAGATGTGTGGTAATGGAGTGCATGCTTTGCCAGATTTATTGCGGAGCTTGAGAATTTGCAGGGAAGGCA
TAGCTTCACTGTTCACTACTGGCGCTGGTCTGATTATTCCAGAACTTCAGGATGATGGACAGGTAAAAGTAGAC
ATGGGTGAACCAATTCTCAAAGCAACAGATGTGCCTACCCGATTGACACCAACTAAAGACCAATCTGTTGTTA
AGGCAGCCATAGAAGTAGATGGAGTTGCATGGAGCGTGACCTGTGTCACTATGGGAAACCCCATTTAACTT
TTGGCAACAAAATTGAGCAGAATCTGCAGGTCGAGGACATAATTTAGC

>trans_s_3082 XM_002873367|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata inorganic pyrophosphatase family
protein, mRNA

ACAGACATTCTCTCCTTTAGCCAATCCATCCACTCCCCTTCGTGTTTTGTGGTTAAACTCTCAAACCTCACTTCCCC
TCTGATCCAAACCAACCACTCCATCTCTCAGCTATGGCCGCCGCAAGAGTCTTAGCCAATGCCACCACAACCG
CTGCCGCTCCTCTTTCTCTCTAAGACCTCCTTTCTCCCAACACACCCTCCCATTCAATTCCAATTTCAATTC
CTCTCCAGAAGACTCCCCTCCTCCAGAAAATCATTCTCCTGCAGAGCTTTGTATCTCCCTGAGGTCAAGATCAA
GGAGGAAGGCCAGCCTGAAACCCTCGATTATCGCGTCTTCCTCACTGACCAGTCCGGCAAAAAGGTCTCCCCT
TGGCATGATGTACCACTGCATTTGGGGGATGGTGTTCCTCACTTCACTTCACTTCACTTCACTTCACTTCACT
AAAGATGGAGGTTGCAACCGATGAGCCGTTCACTCCTATAAAGCAAGATACCAAAAAGGGGAAGCTTCGCTA
CTACCCCTACAATATCAACTGGAATTACGGATTACTTCCACAAACATGGGAAGACCCATCCTTTGCTAACTCTG
AAGTTGATGGTGCCTTTGGAGACAATGATCCCGTTGATGTGCTTGAATCGGTGAAAGTGATAGGAAGATAG
GCGAGATTCTAAAAGTAAAACCACTGGCTGCTTTAGCTATGATTGATGAAGGGGAAGTCTGACTGGAAGATAG
TTGCAATTTCACTTGATGATCCTAAAGCTTCATTGGTAAATGATATAGATGATGTCGAGAAACATTTCCCGGAA
ACTTTAACTGCTATTANGGATTGGTTTAGAGACTACAAGATCCC

>trans_s_3083 NM_130038|Arabidopsis thaliana CYCP4;1 (cyclin p4;1); cyclin-dependent protein
kinase (CYCP4;1) mRNA, complete cds

GAAACTCAAAAACAAAAGAAACAAAAAACAACCAAAAGGTGAAACAAAAGCTCTGAAGCTTGCTTGATTTT
TCATCAATGGCGGAGCTAGAGGATCCAACGTGCATGGCTAAGCTAATCGATTTCTTTCTTGCTCTCTTCAACG
AGTGGCCGAATCCAACGACCGAAACCTCTCTGTTTCATCTTCAACCTCACAAAATCTCTTCTTCCATGGCTTAAC
TCGCCCCCTCCATTTCCATCCAAAGCTACTTAGACAGAATCTTTAAGTACGCCAATTGTAGCCCTTGTTGCTTCGT
CATTGCCTACGTTTATCTCGATCGCTTTGTTCAAAGACAACCTCTTTGCCTATCAATTCCTTCAATGTTTCATCGC
TTGCTCATCACTAGCGTTCTTGTTTCTGCCAAATTTATGGATGATACGTATTACAACAATGCATATTATGCAAAA
GTAGGAGGGATCAGCACAACAGAAATGAACCTTTCTGAAGTGGATTTTCTGTTTGGTTTAGGCTTTCAATTTGA
ACGTCACTCCCACTTTTCCATTCTTATTACTCATATCTCCAAAGACAAATGCTTCTGCTTCAGCCTCCTTTGAT
GAGCACTGCTTCTACAAAATCAGAGCTGCTGCTTAGTTCATCAAGAGCTCTAAATCCCATTCTGTTTTGATG
AAGATGAAGCTTCCATAAGAAGCAACAACCTTGAGCTGTTTGAACAAATTCAAACCCAAAATTTGGAATTCA
AACTTTGGAGCATTGTGGGCATAAATTCCTCAGCCCAATGGAGCAAAACCCAGGTTTCAAAAATTGGATTCT
CTCCAGTTTAAAGCATGAAATGGTTCTGTTGTTTGCCTGA

>trans_s_3084 NM_113124|Arabidopsis thaliana OTU-like cysteine protease family protein
(AT3G22260) mRNA, complete cds

GGGCTAAGCTCTATTTGGGTGCCGCTGAAGGATTGAACAGAAGCTCAATAATTCGATCGTTTCCTTTTTTCGTT
GCTCAATTCATGTGAAGTTGAAGGATTAATCGAGATTTGATTTTGCAGCAAACCGACTCGATCTTACTTGAATT
GCTTCCGATTTCAATTTTAGCAACTAGTAGCTGTCAAGGTAATATGACTGATACTACAGCAACTTAAGTGTA
GCTCGAGCTCAAGTTTGAATAGCAGCTTTCAGGACACTGAGGATGATCATACAATTGCCAGAATCTTGGCAGA

GGAAGAAAACCTGAAGTTTGATAACAAGCTCGGGAAGAGACTCTCTCATCTGGATTCCATCCCTCATACTCTC
GGGTTAATGGGGAAATACCAAACGTTAATGATGCAACCTTAGACCATGAACGGCTGTCAGGAAGACTTGTCA
CATATGGTTTAGCGGAGCTACAGATGGAAGGTGATGGGAATTGCCAGTTTCGGGCATTAGCAGATCAATTATT
TCGAAATCCTGATTACCACAAGCATGTAAGAAAGGCAGTCATCAAACAGTTAAAGAAATTCAGAAAACTATAT
GAAGGCTATGTTCCAATGAAGTACAAAACCTACCTCAAGAAGATGAAAAAATCAGGTGAATGGGGAGATCAC
GTTACTCTACAAGCAGCTGCAGACAGATTTGGTGCAAAAATTTGCTTAGTCACATCTTCCGAGACACCTGTTA
TATCGAGATCCTCCCCAAAGACAATAGTCCCCACAAAAAATTTGGCTGAGCTTTTGGTGTGAAGTGCATTACA
ATTCATTGTATGCCAGTGGAGATCTTCTACAAGAACGCCGAAAAAAA

>trans_s_3085 NM_001074200|Oryza sativa Japonica Group Os11g0267000 (Os11g0267000)
mRNA, complete cds

CTCTCTCCCTCTCCCTCTCCCTCTCTCATGGCAGCTTCCCACTCTCTCCCATCTCTCCGCCCCCTCTCTCCGCCACCC
TCACCGCCCTAACCTCTCTCCACCTCCTTCTCCTCTTCTCCTCAACCCAGCTTCCACCGCCGCC
GTCACCAACCACCACTACCGCCGCCACTTCTCTCTCTCCGCCGAGCTGTCGGCTCCTTCTCTCTCTCCTCAGAC
ACCTCTCTCCGCATCTCTTTCGACGAGCTCGACCGCCTCCTAGCCGCCAAAGACTTCCGGAAAGCCGACGAGG
AGACCCGCCGGCTTCTGATCGCCCTTGCCGGCGACGGCGCCCTGAAAAGAGGGTACGTCTATTTCTCTGAAGT
TCAATTCATTGCCGCCGAGGATCTGAAAGCCATTGACGATTTGTGGCAGAAACACAGCGATGGGAAATTTGG
GTACAGCGTACAGAAACGGATTTTCGAGAAAGTGAACAAAGATTTACGAAATTGTTTATGAAACTTGGGTG
GATGAAGAAGCTGGATACTGAAATTGAGCAGTACAATTACAGAGCATTTCCGACGGAGTTTATTTGGGAGCT
GACGGAGGAGACGCCTGAAGGGCATCTGCCATTGACTAATGCTTTGAGAGGGACACAGTTAATGAGCAATAT
TTTGAACCATCCGGCGTTTGAGGAGGACGCCATTGAAGAGAAAGGTGAAGAAAAATTTGCAGGGGATGAAA
ATGGAGGATTGAAGAAAGGATTGAAATCGATTACTGAGAGGCTTTTCAAAGGGATTATAGCTTTTGAAATT
GGGGATTTTGGAGAGTACCCATTGGAATTTACATCGAATTCCCAATTGGG

>trans_s_3086 GU001147|Panax ginseng cysteine proteinase inhibitor-like mRNA, complete
sequence

ATTCTTTGCCAATAATAAATAAAATGCTTAAACCAAACGCATCGCTTCGTGGCGCAGTTACCTAGTTGGCACG
AATCCCATTTTACGATCGTGGCGCCAAGAGAGGGAGAGAGCGATTCTCATTATATCTCACCSCGAAGAAGTT
TTTACAAAATCGAAAGAGATGAAAGGAACTCTGGAAATCTCTCCTCTGTCATGAACAATCATTCACCATTTT
GTTTTCTCACTATCATCTACTTTGTCGTTGTTGTTGTTGCTGCTGTTTTTCTTTGGATCATCGTTCTTACAGGT
AACGCATCAGCTCACTTTTTCGCTGAGCAGGACGATCCACTCCTTATGGCGTCCACACTTGGAGGCGTTCACG
ATTCTCAGGGAGCTTCCAATCCACCGATGTCGATGAACTCGCTCGTTTTGCCGTCGAGGAACACAACAAGAA
AGAGAATTCACTTCTCGAGTTTGTGAGAGTCGTGAAGGCGAAAGAGCAGGTAGTTGCTGGTACACTACACCA
TCTTACTGTTGAGGTGGTTGAGGCTGGTAAAAAGAAGCTGTATGAAGCTAAGGTTTGGGTGAAGTCATGGAT
GAATTTTAAAGAATTGCAAGAGTTTAAGCATGCAGGCGATGTCCCCTCAATTTCTCCTTCTGATCTTGGTGCAA
AAAAAGGTGATCATCCCCAGGGATGGCGTGAAGTGCCACCACATGATCCTCATGTTTCAGGATGCAGCACAGC
ATGCTCTTCGAACGATCCAGCAGAGATCTAATTCTCTAGTCCCGTATGAACTGCTGGAGATCATTCATGCCAAA
GCAGAGGTGATCGAAGATGCTGCGAAGTTTGATTTGCTCCTAAAGCTG

>trans_s_3087 XM_002879678|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acetyl co-enzyme A carboxylase
carboxyltransferase alpha subunit (CAC3), mRNA

CTGCCATTATCTACACCAACCATAACCTTCTGCACCAGCCGCCATGGACGACGCCGCTCCATTTTCAGACTCTCC
ACTTTCTCTTTCAACCCAGATGCCTCTAAAGCTTCAACAATCTTCTCCTTTATTTTCAGCTTTTATCCTCTCAACCTC
TTTCAGATCCAACCCATCCGCCATTTTTGCTTTTAATTCCTCAATTTTCTACCAATCCCCTCCATTTTATGGCCT

TCTCAATCTCTCCATTGATCTCCTCTTTCAAGCGCTGCACCTTCTCTTTCACCTCCTCTGTTGGGGCGGCTGCGCT
CTTTTTCACCACTCCAATGACTTCTAAATTTGCTGTCTTTAAGACATTGACAAGCTCTGTTTTGACTCCTTCGAGT
TCTTCTACGAGTTCTTTGTCAAATGGGGCCCCATTAGAGATGGTATTGTCCCAAGTATCCTTCAAATGTTTCAGT
TTTGCTTTTGTCTCTGGTGGAAATTTTGTGTGATCCCTGTTTAAAGCTCCTCACTTTTCTTCTTTTGTCAAAGA
GATTGTTAACCATATCTAGTTTCTGAAGCTTCTGTTTCAAACCTAAATAGGAGCCAGGCTTTGATAAGTTCTGCT
TGAATCTTGCATGATTTTGGCTACTTTTCTTGAGGTTTCTGTTGAGTGGTTGATTAGGTGACTCATCTGCAG
CTGTGGAGAGTTCTAGCTGGAGAGATTCAAGCTTCTCTTGTAAGCCCATGGAGATGAATGCATCGGTCATCTC
TTTGTCAACATCTTGCTTGACTTTCCCAATCGTTTGGGCTGTGATTGGATCAGGTGGACCTTTAACTTTAGAAT
CTTTTCTTTAGATCCTCAAGTTCT

>trans_s_3088 AM746109|Populus trichocarpa mRNA for D1-type cyclin (CYCD1;1 gene)

ATCCAAGTTCAATTTCCATCCCATCTTCATCCACCCCCACCCCCACGTCTTCCCTTTTTCTTCTTCACCTGAATAC
TCTCGCGGAGTCTCCGGCTGTCTTTTCTCAATTGGATGGGGATGACCATGCTGTCTGAAAGAGAATGAGGGAT
ACTAAATCCCGATCATGTCCATCTCTTCTCCCTCCGACTGCTTCTCGACTCTCACTTACTCTGTGATGAAGACTC
CTCCGGTATTTTGTCCGGAGACTTGCTGGAGTACTCCTCTGACCTTGAATCGGCGGCCAGCAGTGAGGACTCT
ATCGCCAGTTTCATAGAGGACGAGAGGCACCTTTGTTCTGGAATTGATTACTTATCGCGCTTTCAGTCTCAATC
GCTCGATTCTCCGCAAGAGCCGATTCTGTTGCATGGATTCTCAAGGTTCAAGCATATTACGGTTTTCAACCAC
TCACTGCATACCTTTCCGTCAACTACTTGGATCGATTCTTTATTCTCGCCGCTTGCCGGAACAAATGGGTGG
ACATTGCAGCTTCTTTCAGTGGCTTGTATCACTTGCAGATAAAATGGAGGAACCCATTGTTCTTCATTCTG
GATCTGCAGATTGAAGGAGCAAAATATATATTTGAACCTAGAACAAATAAGTAAGATGGAGCTACTTGTGCTGA
CAACTTTGAATTGGCGGCTCCGATCCGCTACACCATTGAGCTTTATCGGATTCTTCTTACAAAGTTGATCCCA
CAGGAACATTTTCCAGTTTTCTCAACTCACGCTCCACGGAAAATATTCTCTCCCATATACGAGACGCTACTTTTC
TTGAGTACTGGCCTTCCTGCATTGCTGCCGCTGCTT

>trans_s_3089 NM_001052115|Oryza sativa Japonica Group Os02g0100200 (Os02g0100200)
mRNA, complete cds

TATGTAGAGCGATGACAAAAAGTACAGCGAACTACGATATGGACTCTGAAGATGAGGGATGGCTGGTCGAG
TTTAATAATGGGCTTATTGCAACAGACAAGCACGAAGAATGTGCCTCAGAGGATAATTTTGAGTCGACGGTTG
ATGCTTTTGAAGAAGGATTTTACTGCAATCCTGATGCCTTCTCTGACGAGAAAGCACCTGCTGATATATGCACA
CCTCTTGGTAGTCATTCGATCGTAGAGTCTTATATACTTATTGGACAAAGAAACGGAAACAAAGAAAGTCAT
CTTTGATAAGGGTTTTCCAGGCTTATCAATCAAAAAGGAAACCTCCCCTGGTCCCTAAACCTATGATGCGGAG
AAAAAGATCACTCAAAAGGCAGCCTAGCCAATCCGGGAGTTGTAGAACTCCCCAACCAAGTATTTTGAAGCC
ATACATTGGAGACGAGATGCTGTGGAGGACCAGAATGCTGTGCAGAAGTATGAAGAATCGAAGGCAGCAGC
AGAGAAATGCATCGAAAACGCTGTTAATAAGCGGCAAGAGCACAATTGCTGTTGGAGAATGCAGATTTGGC
CGTATACAAAGCCATGTCAGCACTCAGAATTGCGGAAGCAATTGAAGCAACAGACTCTGCTGGTGCTGCTGCT
ACTGCTGCTTGTCTTCTCGAATGAAATTTTACCTTCGAGAAGTGCCACATTCAATTTTTATCCAAATCCATGGC
TTCTGCTTTTCTTTTAAATTAATATTGTATAGTATTTTATTAATGTGTACATTCCTATTTTGTATGATTAGTTGA
ATCTTTATCACCCCATATGTAGAATGAGATGTCCTGATTTTCCCAGGG

>trans_s_3090 NM_121172|Arabidopsis thaliana GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family
protein (AT5G11340) mRNA, complete cds

ATCATTTGCAATTGATACGATCCAGCGCCTTTTATTCTTCTCTTCTCCTCTAACTCTGAACTTCTTCTTCTT
CTTCTTCTTTGTATTTCTTCGTTCAACGGCAATGGGGGTGGGGCGCCAAGTCCCAATTCGCTCGACGGAGTGA
GGGATAAGAACTTGATGCAGCTCAAGAAGCTGAATACAGCCCTTTTCCCTGTTTCGCTATAACGAAAAGTACTA

CGCCGACGTCCTTGCTTCTGGCGAGTTCACCTAAGCTAGCATACTACAGTGATATATGTGTTGGCTCCATTGCAT
GTCGCCCTTGAGAAGAAAGAACATGGATCTGTGCGTGTCTACATCATGACCCTGGGTGTTCTAGCACCTACCG
TGGACTAGGCATCGGCAGTAGACTGTAAATCATGTTCTTGATCTCTGCTCAAAGCAAAACATTGCAGAAATCT
ATTTGCATGTCCAGACAAATAACGATGACGCTATCAATTTCTATAAGAAATTTGGGTTTGAGATTACAGAAACC
ATTCAGAACTATTACGCAAAACATTACCCCGCCAGATTGCTATGTTCTTACCAAGTTAATCACTCAAACCTCAGACC
AAGAAGTAACCTTTCAACTTCGAGTTCATTCTGAGTTGTGTCCTACAAAATTGTTTTGAACAAGCTATGTTATG
GGAGTTAGAGGGCTTTTGACATACAAATTTAGTTATATAAATTTAGTTAGTCAATTGGGGTCTCGATGGATTTT
TGATAATCAATGTCATGGGAGTTGGAGGGCTTTTGACATACAAATTTGTCCCGTCTCTTAATTGAGTAAATCT
TTCTGTGTGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3091 FJ899652|Jatropha curcas small nuclear ribonucleoprotein polypeptide mRNA,
complete cds

AAAGAAGAAGAAAGAATTACATCTAAACCAAACCGTATAAGCCTTCTTCGTTGCCCTAATTGAAGTTCATTCC
CCGTAGCTGGCGACTGTGAGGGCGTGAGCTGCTGCGACTTCCGAGTGAACCTCAGACAGAGTTAGGTCTTCCA
ATTTCTTTCTTGAGATATCTATTTGCTTGAATCGCCATGGCGAGCACCAAAGTTCAGAGGATTATGACCCAAC
CTATAAACTTGATTTTCAGGTTTCTTCAAAGTAAAGCTCGAATTCAAATATGGCTTTTTGAGCAAAAAGACCTG
AGGATTGAAGGCCGAATTATTGGATTTGACGAATATATGAATTTGGTTTTGGATGATGCTGAGGAAGTCAATG
TAAAGAAGAAGAGCAGGAAAACCTTTGGGGAGGATATTGCTTAAAGGGGATAACATAACTCTGATGATGAAC
CGGGCAAGTGATGACCATTTTTGAACCAATACAAGAGATAGTGAAGTGTAGCCCTTTTCAGTGGTGGAACCTG
GAAGTCTTGTGTTGATCATAACATAGATTGTTATTTTTACTGTCAATTGGTTGACTGTTTTTGTACTTGCCTTAA
AAAGAAATTAGAATGTCAGCTTATATGAGAGATAGTCATGGCACTCAACTCATCCAGCACTAATGTTGCTTAG
ATCATTGTATTTATTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAACGAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAATTGGCTATTTTTATTTATTTTATTTTAAATTTTAAATCTTTATAAGCA
TTTTTCACTATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3092 NM_001055708|Oryza sativa Japonica Group Os03g0182400 (Os03g0182400)
mRNA, complete cds

CTTTCTTCTTCATCCTTTCTTCTCTCTCTCTCTCCATAGGAGTACGATCTGACTGATTCCATCTCTATTTCTT
CAAAAAAGCTGCTCATCCTCGTCCCTTCAACTACCGCGAGGGAGTTTTTTTCGGTGTGGAATTTGAGTTTTGGG
TAGTTGATATAGTTTGGTTTTTTGGTGGTGAACCCGGGCCTTGAGGCTCGGAGATCGAAAACATGGGTGCG
GAGACTGAGCAGCAAAGCTGGATTCATGATAAACCTGATCCCAATTTTCACTGCTTGCAGAAATTCAGGCTAT
ATGAGACGCGTTTCAATTTTATCTGATTGGAAGAGATAAGAACCGAACGTTTTGGAAAGTGTTAAAGATCAG
CAGATTGGAACCAAGTGATCTGAACATTCTGAAGATTCTACCACATATACGGATAATGAGTGCTTTGACCTGC
TGAAGCGGATACACGAAGGAAACAAGTTAACGGGTGGGCTTAAATTTGTGACCACTTGTTATGGAATTGTTG
GTATCATCAAGTTTTTAGGACCGCATTACATGATATTGATAACAAAGCGAAGAAAGATTGGAACCATCTGCGG
CCATGCAGTTTATTCAATTACAAAGAGCGAAATGATTCCAATTCCAAATTCTACTGCCCGGTCCAATTTGGCTA
TTTCTAAGGATGAAAACAGGTCTTTAGTCCATTTTAAATGTAATGTAATATGTCCTTGTTCTTAAGGAGACCT
AAGGGGGTAGCTTTCAGAAATAGTGTACATATGTACTTCAATTAGATTTTTGTGGTCCTATATTATTGTGATGA
CATTGACAATTAACTCTTGAAATATTTTTTTTTTATCTGTC

>trans_s_3093 DQ995336|Solanum tuberosum EBP1 mRNA, complete cds

CGGGGGTAACCCTAAATCCTTCTTCCGGGTCTCAGCCACTTTTCTTGCTTCAACTTTCACTTCTCTATCCTAATT
TGCTTCATCTTCTTCTTTCGCCGTATCCAAATCCCTCCCACTGCTTGTTGTTCTTACCGCCGTAAATGATGTCC
GACGAGGAAAGAGAGGAGAAGGAGCTCGATCTTACTTCTCCTGAAGTAGTCACCAAATACAAGAGCGCCGCC

GAGATTGCCAACAAAGGCATTGCAGTTGGTGATATCGGAATGCAAACCAAAGACGAAGATTGTTGACATTTGC
GAGAAAGGGGATTCTTCATTAGGGAACAACTGGAAATATGTACAAGAATGTCAAGAAGAAGATTGAAAG
AGGCGTTGCTTTTCCAACCTGCATTTCTGTTAACAACTATATGCCATTTCTCTCCGCTTCAAGTGACGAGAC
AGTGTTGGAAGAGGGCGATATGGTTAAGATTGATTTGGGTTGTCATATTGACGGGTTTATTGCTGTAGTCGCT
CATACTCATGTGCTGCAAGAAGGTCCGGTTACAGGAAGAGCTGCTGATGTAATTGCAGCTGCTAACACTGCAG
CTGAAGTTGCCTTGAGGCTTGAGACCTGGAAAAAGAACAAGGATGTTACAGAAGCAATTCAAAAGGTTG
CCGCTTCCTATGACTGCAAAATTGTGCAAGGTGTTCTTAGCCATCAGCTGAAGCAGTTTGTGATTGATGGGAA
CAAGGTTGTATTGAGTGTGCCAATCCTGAGACAAGGGTTGATGAGGCAGAATTCGAGGAGAACGAGGTGTA
TTCGATAGATATAGTTACAAGCACTGGGGAAGGAAAGCCCATCAACAACC

>trans_s_3094 XM_002869688|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family
protein, mRNA

ATGGTTGAATCTTCATTTGTTGATGACCATAAATCGTTTGCGGATTCAAGTTCCTTTGCGAAAATGGCGGAAG
AGATCAGTAAGGCCGGAAGTCCGACTTCCACTTCTGCCTCTGAGACCGCCAAATCCAGATCTCTTTGGCCCTCT
CTTCTCCGTTGGATTCCACCTCCACCGATCATATCATCGCCGCCGAAAAGCGACTGCTCTCTCTCGTCAAGACT
CCATATGTCCAAGAACGGGTTAATATTGGTCTGGCCCGCCAGGATCCAAAGTTAGGTGGTTTCGCTCTTCGA
GTGATGAGCCTAGGTTTATCAACACCGTGACATTGAAAGCAAACCTGAGTCTCCGACCCTTGTAATGATTAT
GGTTATGCTGCTTCTCAAGGATTCTTCTTCCGCAATTTTGATGCTCTTGCCAGTCGCTTCCGGGTCATTGCCGTC
GATCAACTTGGGTGGGAGGATCTAGCAGGCCTGATTTTACGTGCAAAAGTACAGAAGAACTGAACCATGG
TTTATAGATTCATTTGAAGAGTGCGCAAAAACAAAAACATCAGTAATTTTATTCTACTTGGACACTCATTTGG
TGGATACGTTGCGGCTAAATATGCTCTTAAGAGTCAGATGCCAAGTCTGAGTGGATTACAAAGTTTAGAGCTA
CTTGAAAGGAGCGGTTTTGAGTCATTTGTGGGAGTCAAATTTTACTCCACAGAAGCTTGTTAGGGGTCTGGG
CCCTTGGGGACCAGATCTTGTCGAGATATACAAGCTCTAGGTTTGGGACATACTCAATCGGGGACATATTG
AATGATGAAGAATCCAGAATGTTATCAGATTATGTATATCACACG

>trans_s_3095 NM_121360|Arabidopsis thaliana DCP2 (DECAPPING 2); hydrolase/ m7G(5')pppN
diphosphatase/ mRNA binding / protein homodimerization (DCP2) mRNA, complete cds

CATTGAGGTGAGGGTCCAAGAAAAAGAGCTGAAAATCTTCATCCTCCTTTCTTCTCGATTTCGAATCCCCAAA
CTCCATGGCCGCTCTCCAACACTCCTCTTCCACTACACCGGTCAAAAATGGCCTTCCTCCTCAAGAACTCATCGA
CGATCTTTGCAGTCGGTTTGTGTTGAATGTGCCGAAAGAAGATCTACAGTCATTTGAGAGGATTCTATTCCTCA
TAGAGTATGCACATTGGTTTTATGAAGACAATTCGGTGGAAAGGAATCCATCTTTAAAGTCATTGAATCTGAA
GGAGTTCATTCATTATTGTTTAAAAGCTGTGATGTTTTAAGACCTTATGTTGCCCATATTGATGATATCTTTAA
AGACTTCATTCATACAAGGTTGAGTTCCTGTAAGTGGGGCAATCGTACTGGATGAGACATTTGAGCGGTGC
TTGTTAGTGAAGGGACGGAAGGATCTAGTTGGAGTTTTCCACGCGGTAAAAAGAGCAAAGATGAGGAAGA
CCATGCTTGTGCCATTAGAGAAGTCCTGGAAGAAACAGGATTTGACATTAGTAATCTTCTCAACAAATCTGAAT
ACATAGAAGTTATATTTGGACAGCAGAGGGTGAGGCTATACATCATTGCAGGCGTGAAAGATGATAATATCTT
TGCCCCGCAAACTAAGAAAGAGATCAGTGAAATTGCATGGCATCGACTCGACGATCTTGAACCAGCTAGTGAT
AATGTAATATCTCGTGGGATGAACGGGCTCAAACCTTTATATGGTTGCTCCTTTTTTGGCTCTTTTCGTGCAGATC
TCTGAGGTCATGGATTTTGACACATCATCCCCCTGTCCATTCAA

>trans_s_3096 NM_001071773|Oryza sativa Japonica Group Os12g0103000 (Os12g0103000)
mRNA, complete cds

CTTCTCATTTACCAAGTAGGAGAATCCATAAAGTGATACAAAGGGATGCAGCGATGAAGACTACCGATTTAAT
TAACCCCTTCTTATAGTATCTTGAAAATTTGGGTACCTTCCATTTTAACTTTTACAGAGAATTTCCATGATATTTG

TAAGTTACTAGATGAGTATCTTTCTGACCGTGCTATAAACCTTCCGTATAGGAGTATAACACCTGCAACCTCCTT
TTTAGTGTTATACTTTTGAATGACGTGCATTTGGCGAGAGTTGTTTGTGGGTCTATTTATTTTCCGTGAAAAAA
GATCACCTTCGGCTGAGAATAGTTCCATTCTGTTGCCAAAACCTGGGATTCTTTTTCAAGCTTCGGCTTGAACC
CTATCCCTTCGTGTGATTTATTTATTTATGTATTTGCAATGTTGAGTCATTGACGTGTTCTTTATTGTTCTGTTCAA
AAGGCTGCTGAGAAACTTCTTTCACGAGAGCTTGAGCCGTGGGAAACAATTGCAGTTGGAGCATTGTCAGGC
GGCCTAGCTGCTGTTGTTACAACACCTTTCGATGTGATGAAGACAAGAATGATGACAGCTCAAGGTCGATCAG
TGTCAATGTCATTTGTTTTCGTTTCAATTCTTCGCCACGAAGGCCCACTGGCTTGTTCAAAGGAGCACTTCCCA
GGTCTTCTGGATTGCCCTTTGGGCGCCATGAACCTTGACAGGCTACGAAGTACGAAGGAAAGCAATGGACAA
AAACGAGAAGCTAGCAGCAGCTGATCAATTGTCTCAAAAGAAAGCAGCAGCTGGTTCTGGTTGAAATCCTCA
CTCCCCATTCTCTTGGATCCCTTCATAAAGGCTGTGGTTTC

>trans_s_3097 NM_117723|Arabidopsis thaliana NRPB9B; DNA binding / DNA-directed RNA
polymerase/ nucleic acid binding / transcription regulator/ zinc ion binding (NRPB9B) mRNA,
complete cds

ATTTACAAGTTCTACACTTTCTCCCGCCATTGGAAGAAAGCTCTCGTCTTTGGCTTGATCGACGTTTCTAGAAGC
GCAGGCGATTGGGATCGATCTTTTTCTTCATTACACTCTTCAAAATCTCTCCTTTCTTTTTTCATACACAATCTT
AGACTACCCCACTGATTCCTTCTGATTATCAGCTGCTAAAGCCCTAGCAGAAATTTTGTTCATCTCTGGCTCAG
GCTTCTCTCTTTTTCTACCCTTTACAAGATGAGTACCATGAAGTTTTGCCGGAATGTAACAACATTCTCTATCC
GAAGGAGGATAGAGATGAGAAGATTCTTCTCTATGCCTGTCGCAACTGTGATCACCAGGAAGTCGCTGACAA
TAACTGCGTCTATAGGAATGAGATTCATCATGCTGTAGGGGAACGCACTCAAGTTTTGCAAGATGTTGCTGCG
GATCCAACCTCCCTCGCACTAAAGCTGTCCGATGTGCTCAATGCAACCATGGAGAAGCTGTTTTCTCCAGGC
CACTGCCAGAGGAGAGGAAGGTATGACATTGTTTTCTGTTGCTGCAATCCAAATTGTGGCCACAGATGGAGA
GACTGATATCAAACACATCTCCAATATGCAATCGAAGTTTAATTGGCACACCAAATGTTTTAACCATTTTATGCT
TGAAAGTGTAATCTTTGCATTGTGGGTTTACAATTGTACTGATTCTATGTGGGTTGTTAAGAACCATTATCATT
GCAACTTCTCAATTTCTCAATTTAACTTCCCAGAGATGTACTGCAACAATGCCATTTGTCTAAATTCGTTTCACTC
CCGGCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3098 AF349961|Daucus carota ribosome protein L23a mRNA, complete cds

ATTGCTCTTAATTTTTTGCATATTTCTTCCTCTCTTTGTTTTGCCTTACCCGTCCATCTCGCCATTCTCTCTTCGC
AGGTAAGTTTTTCTGGTCAAGGATCTTCAGCAATGGCACCTAAAGCCGACAGTAGCAAAAAGGCTGATCCCAA
GGCTCAGGCCTTGAAGACTGCTAAGGCAGTCAAATCTGGCCCACTTTCAAGAAGAAGGCTAAGAAGATTAG
AACTTCAGTCACATTCCATAGGCCAAAGACATTGAAGAAGGATAGGAATCCCAAGTACCCTAGGATCAGTGTT
ACTCCAAGGAACAAGTTGGATCAGTATCAAATTCTGAAATATCCATTGACCACAGAGTCTGCAATGAAGAAGA
TTGAGGACAATAACACCCTTGTCTTTATTGTTGACATTCGTGCCAACAAGAAGAATATTAAGATGCTGTCAAG
AAGATGTATGATATTCAGACCAAGAAAGTTAACTTTAATCAGACCCGACGGAACGAAGAAAGCATATGTTA
GGTTGACTCCAGATTATGATGCTCTTGATGTGGCAACAAGATTGGTATCATCTAAACTTCAGAGCTTGGAGC
GAACGTTTTTCATTGCAATTTGTTACATGTTAAATTTTGGAGAGGATTTTGTAGTAGGACCCTAGTTTTATTTA
GCTTCCTTTTTAATATGTATTGGTAATTGTTTGCTCAGATAGACTGGGTTCACAATACTTGGAATGTTGGAATAT
ACATTCCAACCATTTTCATTATAGCTTGCTTCAGACTCCATTACATCATTACTGAATTTTTGGTTTTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3099 NM_001057036|Oryza sativa Japonica Group Os03g0565500 (Os03g0565500)
mRNA, complete cds

ACCAGAGTGGGCAGCTCCCCTAAAACCCCTTCTCGATTGCGGGATAAAATTGACGGAATAGCTTGTCTACAAT
TATGTTCTCAAACCTCAAATTTAGTTGTTGATCTGGAGGGAAGTGGTTCAATATATCCACATACTCACCCATACT
GCCCTTGGCCTCCTGTCTGTTTTTATGTAAATAATCAAATTCAGCACGTTGAGTGACAGTCTCTCTGAAGTTCA
CACGAGGCTTCCAACAGTTGCGTCAACCTTGTACTCTCTCTGATGCGTTCAACATAAATATCCAAGTGTAACT
TCTCCCATCCCTGAAATTATTGTCTGCCACTCTCTGGATCTAATCCAACACGGAAGTAGGGTCTCTTTTTGA
AACCGATTCAAAGCCTTTGAGAACTGTCCTCCAGAATCTTTGAACTGGTTGACTGCCAATGACATCACCGG
CTCAGGGACGTTTCATAGAAGTCATGGTGTATTTAACTGACCCATCCGTAAATGTATCTCCCGATGCACAGTCCA
CCCCAAAACTGCAACTATTTGCCAGCATGTGCCTCTTGAATATCCTCCATCTCATTAGAATGCATCCGGACC
AAGCGAGGAACCTTAATCCTCTTGCCTGTGTTTACATTGACAATGAACTCTCCCTTCTTGATGACACCTTCATAG
ATTCTCAAATAAGTTAGCTGACCAAAACGACCTTCTCCAATTTAAATGCTAATGCCACAAGCCGTCCATCTGG
AGAACCACTCAATGCAATCTTCTTCTTATTCTTTGTTTGGTCCAAAGCATAATTGCTAACTTCAATTGGACAAGG
CAAGTAATTAAGAACTCCATCTAAAAGTGGCTGAACT

>trans_s_3100 NM_180719|Arabidopsis thaliana RHF2A (RING-H2 GROUP F2A); protein binding /
zinc ion binding (RHF2A) mRNA, complete cds

AAGACTCAATGCAGTGTCCACAAGGTACAAAGAATCGATTTCAAAGAGTACAAGAGGGTGAAGGAGCGGC
TATTCTCTCGCAACACTTCCATGTCAGAACTTGGTTCTGAAGTTGGAAGAGAAGTAAATGCAGGAATTGCCAG
TGTATCACGTATGATGCAACGCCTTGAACTAGAGAGGATGGAGTTACAAATCAAGGTTCTAATGAGCAGGG
TGGCCACAATAGAAGAGAGAGCAACCCAGAGAACTCTTTAAACGACAGCAGTGCTCCAACCTTCTTGCTGCA
ACATCTGCTGAGCGTTAAATCATTAAATTAATTTTGGCAATGCATCTGACATCAGCATCTTATTCTGAAGGT
GAACTATATAAATATATATTCTCCAGACTTGATATGCTGAGGAACAGATGCCCCGTCAGCCTTTGCAACAAAA
AAGGGTTAAAGAATTTTATGTGTAGAGAGTAATGTTGATTGTTGTCTGAACTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAACCCAATAAGGAAGAAAGAAGAGGGGAGAGGGAATTTGGGAGAAAAGCTTCCCATCTGGACATGT
TGTATGTAACTTTTTCTTACATAAAAAAAAAAAAAATACAGTATTTGATGCAAAAACACATGTTAGAAAATATG
TCTGGATGGGTTAGTCTTTTGAAATTTGAGTTTCTTTGCAATGTTTCATATAAAAAGTGTCAAACGAACACTCA
TTTCTTTGATGAGTTTTAATTTCTTTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAGGTATCTTACCATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3101 HM122446|Malus x domestica ARF domain class transcription factor (IAA5) mRNA,
complete cds

CGAACGTGGATGGTGAGAAGAGCCTCTGCTCCAAGGATCCTGCCAAGCCACCCGCCAAAGCACAAGTTGTGG
GATGGCCACCAGTTTCGATCGTACAGGAAGAACGTGATGGCACAGAAGAACACAAGTGGCGGCGAAGGAGCG
GAGAAGGGAAGCAGTGGCAGCTCAGCTGCCTTTGTGAAGGTTTGCATGGATGGTGTCTCATATCTCCGAAG
GTTGACCTGAAAATGTATCAGAGCTACCAAGAACTTTCTGATGCCTTGGCCAAGATGTTGAGCTCCTTCACTAT
GGGTGAATATGGTACACAAGGAATGATAGACTTCATGAATGAAAGGAAGTTGATGGATCTTCTCAATAGCTCT
GAGTTTGTTCTACTTATGAAGATAAAGATGGCGATTGGATGCTCGTGGTGATGTCCCATGGGAAATGTTTG
TGGATTCATGCAAGCGTTTGAGAATCATGAAAGGATCAGAAGCCATTGGCCTTGCCCCAAGAGCTATGGAGA
AATGCAAAAAGCAGAAGCTAGCTGAGAAGAGATGATATTGAGAAAGTGGTTTTGTGAAGAATATGGTGTTC
GCTTGGAACTTGATGTTGTTCTGTGTATTTTTTTCTTTTTTTTTTAAAAAAATTAATGTTGTTTTTTGTTTA
AATTATTAATTAGTATATAAAGAAAAATATCAAATGATCTGTTGTTGGGGACAATATTTGTAATAGAAGAGAC
ATGAAAAGCTGTAACTTTACCTACTGTCTGTCTGGTTGATTTGTTTGTATGTTTAATTATTATTATTACC
ACTAATTAATTTCCATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3102 U66276|Cucurbita maxima phloem filament protein (cPC7) mRNA, partial cds

AAGCATAACCAAGAGCCTACTACCTTTCTCCAAAAATAAGCTAAAAGGAAAGATATAGCGAAGATGAGTTG
TTTGGAAAAGGGGGAGTGGATAAAAATACCTGATGTATCAACACCGTGTGTTTCATGATATAGCAACTTTTGCA
GTGAACCAACACAACAACGAAAGTGGAGAAAAATTGACACTCAAAAGTGTGTGAAAGGATGGTTTTTGAG
TTGAGTTATGATAGATTAAGCATCGTTTGATCCTTACAGCAACAAACGACAAAGGAGTTGTTAAAACGTACG
AAGCCATTGTGTGTGTCATAGAAAAAGTGGGTTTCAAAGAGTGAGGAACTCCTATCTTTCAATGCCGTTA
TTTGGATGAGAATGGAGATCTATTTTGGATTGAAATTCCTTGATATTAATCAGCCTTGTGTGCAAGACGTGGCA
AAGGCTGCTGTGGCACAGCATAATGAAAAAGAGCATGATAGTCTTGTCTACATTTCTATCACTCAAGGTTGGT
ATCGAGAACTTGACGTGAATTATGCTATATTGTTCAATATTCATCTTATCACGAAGGATTGTTTTGGACGAGTG
CGTGAGTTTAAGGCTTTGGTTCTCGAAGACAAACATGGAAAGGACAAAATTCGAACACTCAAATCTTTGGAAG
TTATTAATAAATGTTAAAAACTTGCTATCTATGTGTACGTAAGAGTACGTTATGTTATATGTTATGTCTAAGTTC
TTGACTATATATATCCATAAATGAATAGTCAAGCGTTAAATTAATAAAAAGCTAGGTTTTAAATTATATGTCA
CTCTTTTATGTCAAATTTAATAAGGAAATTGTTTATGTTATAACTAT

>trans_s_3103 AB531023|Malus x domestica MdVOZ1 mRNA, complete cds

AAGGTTCTAAGGCAAAGGTATCTAATGATTGAGTTGCTGATTTACAGAGGCAAATGGGGAGACTGACTGCCG
AATTTCTGATAATAAACGCTTTGTTAAGGGGAGGACCAGAATTAACACAAAAGTTGGTCTTGGAAATGTTTA
CCCCTCAGCAAATAGAGTCATGCCGCCAGTGGAACTTATGACTATATGCTTCATGCCCAATATGATTACCTTG
TGGAGAATTTGAGTGAATATTACCTTACATAGTTAAGAAGCTCAGTTGTGCAATGAATTGCATGCTCTCGTGGT
TTCCATCGGAATATGATGGGATCGAGTTTACGGTTCATTCTTTCATAATTCGGTTTTTCTTTTGGCCTCAAATA
ACATAAATAAATTCTTTCTTTTTCTTTCTCTCTCATGGTATACTATCTAATACTTATGTCATGGGAGCTGCGAC
GATTACACCTCATATGGAGCTTCTAACTTCTGGAAACGGTAAGGCTGGTTGTTCCCTAATATTTTGGGTTAC
AATTTGCATTTGGTAGATTCTAGAGGGAGATTAGTCACCTGAAACTCAGCTGAAGCCTTAGTATTGATGTATAT
TTGTTTCCGCTGGTGTACAAACTCCAATAATGGTTTAGTGATATGTAATCCGCTTACATTATGTTATGTTATGT
GGCGGATAATACTAGTTTTTATTTTATTCCTGTCAATTGTCAACATACACATCTTGAGTGATCTTTTCGGTCAT
CTCTCAAGATATTGAAATGTATATTGCTCGAAGGTTACGACTTGTTAACCATTATCAGAAATGTAGATTTACTG
AATTATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3104 AJ243759|Pisum sativum mRNA for outer envelope protein OEP37

AATGGCGGACTTTGAATCCTCCGCTCCTCAACCTCCCAACTCCAATTACCTTCTCTCACTTCCCCCTTCCCCCCA
TCTCTCGATCCTCCTCCTCCTCCTCCAATTCGCCCCCTTTTCCCTTTCTCCAAGAGGCCCCCATTCGAGTCA
CTTCCGAATTCGACAGTGAATCTTCCATTTTCTTCCACAAGGTCTCATGCAAGCTCCTCGACAACCTCGCCAAGA
TTAAGTTCTCCTTCCAAAACGACAATAAGGGCCAAATTACTGACTCCCAGTTGCAATTCGTTACCAAGTACCTC
TCCATTCAATTATGATCCTGACGAACACAATGCTCTCCTCCGTTCTTCTATCGATGTTGGCCCTAGGTTGCACTTC
CGTGCTGCTCATGATATTAAGGGTCAACAAGGAGAGCTTGGTGTGGTTGCTAAAATTGCCGATCCTGGTTACG
CCTTGGAACCTCTCTTACCTGTTCTGCCATTGGAGCGCCAAGAGCAACTTTTAAGTTTCCCATGGGTGAAATT
TCATTGGAAGAAAGAGAAGAGGAGGAAGTGAACCGGGCAATGTCAATAAATGGTGTCTTAAAGGGCAATT
TCTGAATGGCAACTGCGCTGCTCACTACAAGGATGAAGAATTGGAAGTGAATACAGCTACAAGGATGAGGC
ACTTTCATTTATTCCAAAAGTTTCTTTGCCATCAAATGCATTGTCAATTCATTCAAGCGTCGGTTTGGTCTTCT
GATAAATTAAGCTATTGGTATGATTTTGATTCTAACGACTGGAGCGCGGTGTACGAGCACACATATGGGAAAG
ATTTGAAAATAAGCTGGTTACGATACAAGGAGAACT

>trans_s_3105 XM_002888602|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATNAP3, mRNA

CTCTTCAAATTCCTGTTCTCTTTGAAGGTACTGTTGCTGACAATATAAGATATGGACCTCAGTTGAGGGGAAA
GAAGCTGAGTGATGATGAAGTTCATAAGTTACTCAGTCTAGCAGATCTTGACTCGTCTTCTTTAGCAAGATCG

GCTCCGAACCTATCCGTTGGGCAAGCTCAACGTGTTGCGCTTGCTCGAACCTTAGCCAATACACCTGAGGTATT
GTTGCTGGATGAACCAACAAGCGCATTGGATCCTATCTCGACCGAGAACATCGAAGATGTATTGGTGAAGCT
GAAGACGAAATGGGGATTAAACAATCGTAATGGTTTCACATAGCATCAAACAAATCCAGAGAATTGCAGACAT
AGTTTGCCTACTCGTGAATGGGGAGATTGTCGAAATTTCTACCACCGAACAACTCTCGGAAGCAAAGCACCCC
ATGGCTCTCAAGTTCCTTGAAGTCAGCTCTTGAAAAACAACGTGCATTGTTGTTGTTATGTCCTCTACTCCTGAAT
GTTTGTGCTCTAACAAGTCTGGAAAAATAAGCAACTGTTGTATTCTATTAGTGCAAGGTGTGATAACTGTTA
TCTAGATGGAAGTCAGATTGAGCATCGGGATGAAGAAAGGGAAGAGGAGTGTTGAGAGCGAAAAATTTGTAG
GAAGGAATGGCGTTGGCAAAGTGAACCAATAGGGGCGGGGACCGATCCAATGGTCTGCTCTGATGCACGCA
GGCTCCCAACATCAGTCACGTGCTAGGTTACCTCCCGGACCCACATTCACTCCTGGCACGTACGATCCTCCCT
TCTTCAGTAATTTCTTTCTTTCTTTTGAATTTACCAAAATGTTTAATGC

>trans_s_3106 AL161585|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 81

AATAAACTAACATTCTCAATTGAAAAGAAAATTTAAAGGAAAAAAAAAGTGACAATTAAGATTACTCTTGT
CTTTCTTGTTGATTTTTCTCTGTTTCCATGATTCCGATTAAGAATTTCTTGCAGCACCGTCGTATTTCTTCC
ACCGGAGATCATCTTCACGTTGAATCGAAAAATTTGAAGGAGGAGTTTGTATCAGTGACTTTCATTTGAAT
TTTACGAGATCGATTTTATAATTTTTTTTTCTTTTCTTTCTTGAAATGGAGTCCGTCAATTTCTACGACATAA
GAACAGAGAAAGCGAACGCGATTCTTAAGTATCGACAGTTTAGGAAAAATCGTAACCTGTTTCGATTCATCGA
ATTGTGTTTGATTCTCATCGTGATCTCGAGATTTCCAGTCATTTGCCGACTGCTTTGAAAACTTCACCGAGTA
TTTCCGATACTTGTCGTGACATTAATTAGTCCTCGTTTCGTGTTTTGATCGGAAACGCTATAGTCATCACTCT
TTTCGCTAAATCTGGACAGTTCTCTGCTAAGGATCCGAGCAAGAAGAATTTAGTTGCCGATCTTTACGAGGAG
TTCATAAAAAACAGCGAGAAGAATAATCAGAAATCTCCACGCGCTGAAATCAATTATCAAATCAAGCATATCG
ATGAAAGCCGCGGCAAGGCTTCGGTATGTGTGAGAAAGTCGTGAATAATCCTGAAGAAACAAAGCGATATC
AGAGGTGTAAATCGGAGAAAATGGAGTTGACTGCGGGAGAAGGTGGATCGTGAATTATTGCAGCGATCG
GAGACGGAGATATGCAAGAAAATGGTGGAAGTGAAGGAAGGA

>trans_s_3107 AJ871580|Glycine max mRNA for beta-amylase (bmy1 gene)

CTAGTGAGCTAATTGCTCAATGTGATCGCCTTCTCTCTTGCTCATCCGTCTTGGCAACACCGAAGCAACCA
TTCATGGGAAGGTTCCATTGATGCATTCTTGGTACAAAACCTAGATCACACCCAAGTGAATTAACAGCCGGTTTC
TACAATACTGCCAACAGGGACGGGTACGATGCTGTAGCGGAAATGTTTGCCAGGAACTCAAGCAAAATGATC
TTGCCCGGGATGGACCTATCAGATCAACATCATCTCAATTATTGCTATCAAGCCCCGAGTCATTAATAGCACA
AATCAAGTCAGCTAGCAGAAAGCACGGCGTAATGTTGTCAGGACAAAACCTCATCCAATACGGGACCTCACGG
GGGCTTTGATCTGATAAAGAAGAATTTAGATGGCGAGAATGTGGAGTTGTTACATACCAGAGAATGGGAGC
TTACTTCTTCTCTCCGAGCACTTCCCTTCGTTTGCTGAATTCGTTGGAAGCGTCCATCAACCTGAACCACATTC
AGATGATCTTCTGTGCAAGACAAGGAAGAAGAAGACATTGTTGAGATGCCGTGTCCAGTCCACGTCCGA
AGCACAGATGCAAGCGGCATAAGAGAGGCCAGAACAAAGATAGTAATGTAAATATAGAGCGAATTGGATTATC
ATCGAGTAGAAACAGCCTTCTAAAAGATAACTGAGATATTGTTTGAGCCATTTGATGCTGTGTGAATAACTTAA
ATTCAAGCCTTGACAAATAGTGTACTTTAGAACGAGGATTTATATACAACACATCCTCGTAAGAATCAGCTCTG
CATATGCTCTGTAAGAAATATGTTTGGTTCGAAGCAGCAGATACTTCA

>trans_s_3108 NM_001068730|Oryza sativa Japonica Group Os08g0508100 (Os08g0508100)
mRNA, complete cds

ACAGGAAGAGAGATGAGGCTGTTATGGAAGCTTCTAGATTAATAACGCCATGGCTGAACTGGAGAAAAAAC
TGGACAACTCGAGACGTATTGCCATAGTTTGAAATCCGGGATCGAAGAATGTAGCGGTAATTCGCCTTGCCA
AATTGGGAAGTATAATCAAATCCAGAGTTTTCAACAGAGTAATCAGAAGCAAGTAATAGAACATTTCTTAGTT

TCGGTATCGGAATCTCGATCTTCGATTCTGCTCTTCTTAGTCGTTCACTCACTCTGCAACTCCGTACGTCGGAGCC
AAAGTATACGAACGAATTTCCCTTCTTCTTCAACCTTACGATATCAAAATCTCATTCTCCAAAAACCCTAGAAGC
ATGCTTTTCTACCTTGAAGCTCTACTCAACCAAGCATTCTTCGAGGATTTTGAATCAATTGGATTTCAAAAGAAC
GCATCGACTCAAGTTCTAAATCCAATCGAAAGATGCGAAGCGAATTTTGAATGTTTCAATTTTCTCCATGAATT
AACCTGGGAGGAGGTTCTAAGCAAAGGCACAAAGCATTTTCAAGGAGGATTTTCAAGCCGGTTTTGCGACCGGAA
AATGAGCGAGATCGTGGCGATGCTGGGATGGAACAGAGCCTGGCCGGAGCCGCTGCTGCAGGCGTTCTTCA
GCGCGTCGAAGAGCGTGTGGCTTCTGCACCTATTAGCAAACCTCCGTACATCCAAATCTGCCAATTTTCAAGAGT
GGAGAAAGAAGCCGATTTTGAATCCGTTTACATGGAGGACATGGGCGGCGATAAGGCAAGAAAGCTGATAC
CGTCGTTGGTCAGAATAATGATTTCCCCTGGTTTCTATGTTTACGGCAGT

>trans_s_3109 AL161494|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 6

CCCTCATCTCCATTTTGAATAGCAAACCTTCTCCATTAGCTCAACCCCACTTCTCTCATTACCGCTGCTGT
GGAGGATTTTCTCGAGAAACAAATAACGTTTCAAGAATCTTTTCTCCGCTAGCAGCGTTTTTATATCCAATGGC
TCGCTCTTCTCCAACGTTAAGATCTCTCCGCTGTTGTTTCCGATGGATTCTCTCCCTTCTCACCAGTCGTGGT
TATGCGGCGGCGGCGGGTTCTCAAGGAGTTGCGTCGAGTGCAGTGAAGGAGCAGGTGTTGCGGCGGCGA
GGAGCAGTAATCTGTTGAAGAAATCGGGAGAAGAGAAGGTTGTTGGATCAACTGAGAAGGTTTCTTGGGTG
CCGATCCTGTCACGGGGTATTACCGACCGGAGAATCGATGCGATGAGATCGATGTTGCCGAACCTCCGATCG
ATTCTTCTTAAGAACAAAACTAAAAATCTTTTTCCGGAAGGAATTTATATTAAGAAAAACGTAAACGAAA
AGAGACCTTCGGGCTTCGGATCGAGATTGAAAGAGGATTGGATCGGGCTTGAGTGTGGAATTTGTGAAACAA
TTTGGGGATTAAGAACAGGCTCTACGACGAATAGCGGTTAGAGATTCAACCGACGGTGTGTTCTCAATTCCTG
TTTAGATGTTAAGTTTGTGTTACTATATTCTGTTCTTTTATGAATTCGAATGTTCTTCGGGTTACTGTAATCTTGA
AATACTACTACACAATGAATGAATATAGGCAGTAGCCTTTGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3110 NM_001084111|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing
protein (AT1G22700) mRNA, complete cds

AGTGTAGTATCTGCTCCCTCTTCCAAACACACCCACAAAATTGGAGTCTGGAGGAGCGCATCTGTCTTCA
ATTTTGAGAACCACCCAGATTAACAACTTCAAATTGAGTCCCTAAAATCCCTCAAATGGCTTTACAGACGAG
TTTGTCACTTCATCGTTACCATCTTTTCTCTTCTCATTCCCTCCTTCCATTTGGGTCTCTCCAGCTCAAGCCTC
ACAATCTCCTTCTCAGGAAATTGTGCATCATTTTACGTACCAATTTTGCAGGACTGTTAGAAAGGGATGTAGA
CTTAATGTTAGGAGGTTTTCTAACTTCAAGCAGATATTTCAAAGGGAATTGGCAATGGAATCTCAATCATCG
ACAATGTTTGAGAATTGTGAACCACAAAAGGCCTAGCATTATTTGTATCTGCTTTCTCATCAGGGCAATCTTT
ATGGCTAGTTTCTGCTGAAGCAGCATTCGCTGGGGAAGACATGAAAACAAATACAGTTTACGAGATTGGGGA
GTTATTTGAACTAGGAATACAACTATCTTATCTATTATTACTATTAGGTCTTCTTGGGGTTGGTACCTTCTCGT
CATACGTCAAGTTCTTGTTCTGTAAGAACTCGATCTTTCTGCTAAAGAACTGCAAGAACAAGTGAGAAGTGGT
GATGCCAGTGCTATGGAATATTTGAACTTGGTGCAGTTATGCTGAGGAGGAAAGTTTATCCTGCTGCCACTA
AGTATTTGCTTCAGGCAATTGATAAGTGGGACGGGGATGATCAAGATCTTGCCAGGTGAACAACGCGCTCG
GGGTTTAGTATGTGCGAGATGATAAGCTTTGACAGGGAATGCC

>trans_s_3111 AF118129|Nicotiana tabacum Tsi1-interacting protein TSIP1 (TSIP1) mRNA,
complete cds

AGGAATACCAGAGAATTTCTCTGGCGGTTCTGTGCTTCGAACGAAATCACACAAGAAGAATCCGATTGCTCTCT
CTTGGCGGTACGTGATTGAGACGAGAAGAAACGGAGAGAAATGTCGAGTTCTGTGTGTTGCAAGTCTGTGAT
TATGGCGAAATCGATTGACGGCAAAGGATTTCCGTCTACGAGAACAGTATCAATCTGTTCCAGATTTGCTGCG

ATTCGTGTTTCGCTCATCGATTCGAGACTATTTAAGTCTAGGATTTGTGGCGTGCGAGCTTCCATGGTTGATTC
TTATGGAAGCTCCGATTTTCGTCAAGAGGATGGAGCAAGCGTGGGAGATCTCTCAGCAACCAAGGCCTATTTG
CTGCTCTTCCTGTAACCAATGGACATGTTGAGTGCAAATGGTGTAGAGGAACTGGCTTCTTTATTCTTGAG
ATAATATGCTTTGTCAAGTTCCTTCCAGAAACACTAGCTGTGTCAATTTGTGCCGGCAAGGGATCTATGTGTTGC
TCTGACTGTAAAGGTACAGGTTACCGGGCCAAATGGCTAGGAGAGCCACCCATCTCTAAATAGCCTCGTTTCT
CAGCTCAACTATTACAGCCTGTTTTTACCCAAAAGATTATTTTTCTTACTAAAAGGTAAAAAAAAAAAAATTGCTT
TGTTACATAGTTTTAATTGTTTTTAGCCTCATGCTGCATTTGGAGGTACAGATGTTGTATTGTTTCAGAAATTTA
GTAGAAATTTGTGCTGATCAGTAAATTGTTTCATATTGAAATTACATTTGGCTCACTAGACGTGTTTTTCACGATAA
TGTTAAGGTACTACCTGCAGGAGCCAACTCAAATTCTATTCATG

>trans_s_3112 XM_002888546|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata rubber elongation factor family
protein, mRNA

ATATCTTTTAGGAACTACTGGAGCAGCCAAAATCCCATTTCTCGAAGATTAAAATCACTATGGAGAGTGAAA
GCCAGAATTTGGAGTTGAAGCATCTAGGTTTTGTGAGGATTGCTTTGATTCAAACGATTGTTTGTGTTACGAAT
CTGTATGATTACGCGAAGCAGAACTCTGGACCTTTGAGATCTGCGGTTGAAAGTGTGGAGAGCGCTGTAAAC
ACTGTTGTAACCTCCGGCTTATGAAAAGCTTCGAATCGCTCCTGATGATGTTCTTGTGTTTTCTTGATGGGAAGGT
TGACAAAGCTACACATGAGTTTGATAAACGTGCACCTCCTCTAGCAAAACAAGCAGCTCAAATTACTCAGCATT
TCATCCAAAAAGCTGCTAGAACTGGAAAAGAACTTGTGAACGAGTTTCAAAGTGGCGGACCACGCGCAGCCT
TTCATATGCAGCGAATGAGTACAAGCAATTGGTTCTAGACCAAGGAGTGAAGATGTGGGCAGGACTCAACC
GGCTTCCATCGTTCCACAAGTTCGCAGACATGGCAGTGCCGACTGCAGCTCAGTGGTTGGAGAGCTACAACA
GCAAGGTGAAGGAATTGAGGCAGAAGGGTTACCATGTCTTCGACTATTGTCCCGAGGTTCTGTGAGTAAGA
TAGCAAAGGCATTTAAGCAGGGCGAGGCGAAGGAGAAGGAAGAGACATCTCCAAGTACTCCTGAACAAGCT
CCATCCAAGAACGAAGCAGGTTTCGGATTCTGATTCTGATTTCGGACTCGGCTTCGGTTGCAGGTCCCAATTAGA
AAATGGGGATTGATTAGCCAACGGGTGTGGTTTGGCAGATTTGTAGATCATGAT

>trans_s_3113 XM_002873375|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L17 family
protein, mRNA

AAAGGGTTTTTCCCTCTTCGAGCTCAGTCTTTGCTCTCTATTCGCCATTAACGATGACGAAGTTTAGAAAGCTT
GGTCGACCTGCAGCACACCGGATGTCCATGCTCAGAACAAATGGTTTCTCAGTTGGTGAAGCACGAACGCATTG
AGACTACTGTTGCTAAGGCTAAAGAAGTTCGGCGGCTTGCTGATAACATGGTTCAACTGGGAAAAGAGGGTA
CCCTTTCTGCTGCAAGGCGTGCTGCTGCTTTTGTAAAGAGGCGATGCTATCCTTCACAACTATTACAGAACTG
GCTTATCGATACAAAGATAGAGCTGGTGGATATACAAGATTTCTGCGCACTCGGATACGTGTTGGTGATGCTG
CACCAATGGCTTATATTGAATTTGTTGATAGAGAAAATGAGCTCAGACAGTCAAAGCCTCCAAATCCTCCACCA
CCTCAGAGGCCTCCATTGGATCCATGGACTAGATCACGGCTTAGCAAGCAGTTGGCACCACCCAAAGAGATCA
AATCCGACTCTGAGATCTAATACTTCATGTTTAACAAGAAGGCTCCCCCTCAAGAAGTTCATCTAGCCACCACC
CCGTCCAATTTGTTTTGCAAACCTCCAGATGTAAACCAACAAGTATAGACAATGCTTAAAGCTTTCCCTCAAAC
AAGGAGTGTGTTTCAGCTCTCAAAGTTCCCATTTCTTGCTCTTATACTGTTTCATCTATAACATGACATCGG
ACCTTAAACTGATAAAGGCTGAGTCTCTCTNCAGTAGAATCTCAACTTATTCAAAAAATATATTATGCTTTAG
GTGACTTTGGGTGAATATAGGTGAGGAACAATGGGTGATGGTGG

>trans_s_3114 BT006553|Arabidopsis thaliana At4g39880 gene, complete cds

TCTACGACCGCTATTATCTCAGCACAAGACCTAACAATCCCAGCACTGCACCTCGCCGTTCCGTCCCAAATCCC
TTCAGTTGCTTGAAAGCTTGCAAGTACAAATCTACTATTCTCAGGTTTCATTCCATTGTGAACCTCCCGTGTTTC
AAGTAACTGTTTAGATCTTGGTTTCTTGTTCTTGTTGGGTTTGATTTGATGTTGTTTCAAGCAGATTGGAGTTAG

AATTTGTAATTGGGTTTTCAAAGGATCTGTTCATCGACTGTTCATTGACGCGGAAGCCAAGAAATCCAGGAA
CATGGGAAGCAGACTCGGGAGAAGAGTTGTTCACTTCGCAAATCTTCCAATCAAGCTTCTTATGCCTACCTCCT
TCACCAACATCACTGAAATTGCTCTTAAACCATTCTTCTGCTTCTAAAATTGAAATCAAGCGCTCCTTGAGA
GCCTTTACGGCTTTTCAGGTCGATAAAGTTCGAACTCTAACATGGAGGGGAAGAAAAAGAAGCGTGGAGGGA
TTTTGATCGCAAAGCCTGATTACAAGAAGGCCTATGTTACTCTCAGAAATCCTTTGTCAATCTCTCAGGACATG
TACCCGATCCGCATTATAGAGGAGGATAAGAGGAATATGAACAAACAGTCTAAGTCCAGCATTGTTGAGGAG
GGCGAGGCAAAGAGGCATTGGCTGCATGAGAAAGAGCCTGTGGGAATCAAACTTACAAGGGTTTTGCTGA
TAGAGGCCGCCGACGAATTGGCGGCGGCGCTGAAACGGTTGAGCCATCAACTAAGTTTCCTTGAGTAGCAT
GAGGTCTGGTAGGTAGTGGTAGTGTGAAGAAACGTATCTCAGTTAC

>trans_s_3115 Y11607|M.sativa mRNA for protein phosphatase 2C

AAAACCTAATTTAAAATTCTTCAAATTGGAACGACAAATCGATACTTGAAGAAAAATTCTTACCTGGGTTTT
GATTCTCTTGTTCTTGAATTCGGGTTTTTCTTTACAAGCTTTTTAATATGTCTGTCTCTGTTGCGGTTTCAA
TTCCCCGGGATTTCCCTTCATCCTCCATGTTCTGCAACAAGACCTCGATCATTTCTCCGGCGCCGAGGCGTT
GACGCTCACTTTAGCTCATTTGAAGTCATCGCAGGCTTCTCCTCTTGCTCTTCATCTCCTTCTCTCCTTCTCCC
CTTTCCGCATTCGGTTTCCGAAGCCCCCTTCTGGGCTTTCCGCAGCGGCGGCAGCGGTGGCGCTCGTTCAAC
TTCTTCTCCTTCGTCATCGTCGTCGAGCGCGATCTTGAAAAGGAAGAGACCCGCTAGGTTGGATATCCGTTGA
CACCTTTGAGTTTTGGCGCTCCGGTGATGCCTTCGCCATCCTCGTTTAGGGAGGTGGTGGAAGCCGAGAGAG
ATGGGTATTCTGTGTATTGTAAGAGAGGTAGGAGGAGAATTGCTATGGAAGATCGGTATTCTGCTGCTGTTG
ATATTAATGGAAATTCTAAAGAGGCGTTTTTGGTGTATTTGATGGACATGGAGGTGTAAAGGCAGCTGAATT
TGCAGCAAATAACTTAGAGAAGAATGTTTTGAATGAAATTGAGAGAATGGGTGATAATGAACTGATTTTGA
ACAAGCTATTAAACATGGCTACCTACCACAGATTCTGATTTCTCAAGGAGGATCAACGTGGTGGTTCTTGTT
GTGTAACGGCCCTTATCAAAAAGGCAACCTTGTTATTCC

>trans_s_3116 NM_101527|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G16670) mRNA,
complete cds

CTGATTTTGGTCTTGCTAGACTACTCCCTGCTCACTTGACTCATGTTAGTACACGTGTTGCCGGGACAGTAGGT
TATCTTGACCTGAATTTGCCATACGGGGGCAAGCGACAAGAAGAACAGATATTTATAGTTTTGGTGTCTTACT
TTTGAGATTGTTTGTGGGAGGTACAACATAAATAGACGGTTACCTGCTGAAGAACCGTATCTTCTTGAAATG
GTGTGGGAGCATCATGAGAAAGGGCAATTGTTGGAATTGGTAGACATATCATTACGTGAAGACTTTGTGACG
GAGCAGGCCTGTAGATACTTAAAAATCGGTCTTCTCTGCACCCAAGATATGCCAAAACCTCCGGCCATCTATGG
CTACTGTTGTCAAGATGCTAACAGGTGAAATTGATATATCTGATCAAACAATATCCAGACCAGGAATGCTTTCA
GAGTTCATGCTTCGAAAAGATGTACTAGGCAAGAAAGGCGAGTCAACAGCTGAAAACCTTTCATCATCAGGA
CACATGGACACCTCATATGCTACGATAACCTTCGATTCAATATTTGATCGTAGTAAGTGAAGTATGAAATTATTT
GTTGGTTAGCAAGCCTTCTAATTAAGGGAGGTATATATTTATTTTTTGTCTATCATGAGTACATGAAGTCTAT
TCTACTATGGCACTTTTTCCACTTTCATGTGTCGGTATCTAACCTTGTCATTGTAGGAATTTTATGATGAATTT
TCATTGAAAATCACATGACGTGTTGTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3117 XM_002303969|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

CCGCATTCAAACAAAAAATATCAAACCTTTTTCTTTTCATCTCACAATGGAAAACCTTGAATCCAAGTTCACC
GAGTTCATTCCGGGTCTTCTGAAGAACTCAGTCTCGATTGCATCACTCGTTTGCCTTACACAACCTACCGACTT
GCCTCCGCCGTCTGCCGCCGTTGGCATCAACTCATCTCCAGTCCCATTCTATTACCACCGTCGAAAATCCGG
TGCCACTACTCTTCTCGCTTGCTTCATTCAAGCTCTCCCCAGCTTCTCCACCACAGGATGGAAGCTCTGTAC

TTCACTCGCTTACGGACTCACCGTTTTCTGACTCACTGAGTCAATCCTGGGACCGAATCCCTCCGATTCCACAATA
CCCAGATGGTCTTCCTCTCTTCTGTACATAGCTAGTACCGAAGGAAAACCTCGTGCTCATGGGCGGCTGGGAT
CCCGCAACTTACGATCCGATTGTTGATGTTTTCTGTTTACGATTTACCCACGGTGCCTGGAGGAAGGGGAAAG
ATATGCCGTCTAAGCGATCCTTTTTTGAATTGGGGCTTCCGATGGACGAGTCTACATCTCCGGTGGCCACCA
CGAGAGCAAAAACACCTTGAAATCGGCATGGGTTACGATCTCAGAACCGACGAGTGGACTGAGTTGCCCA
AATGAGTCAGGGAAGAGACGAGTGCGAAGGTCTGATGGTCGGCCGCGAATTCTGGGTGTTAGCGGCTACG
ACACCGAACGACAAGGGATGTTTCGACGCCAGCGCCGAAGTTTATGACCTCGATTCCGGGGAGTGGCGAGTTG
TGGATCAGGCATGGGAAGAAGGCCGGGTGCCACGGGCATGCGTC

>trans_s_3118 NM_001052391|Oryza sativa Japonica Group Os02g0141000 (Os02g0141000)
mRNA, complete cds

TTTCTTGTAGAACTATAAGCAATTTGAGTGGGAAATGGATTGAGCATCTCTGGCTGCTCGCGCTCTCTTCAT
CCGCAGCAGAATCTTCACTCTGTCTTCGTCTACGGCTCTCTCATGGCTGATGAAGTTCTTCGTATCCTCTTGAAG
CGTACTCTCAATCTTCTGATGCCGTTCTCAATGGCTACCAAAGACTGAGTGTTAAAGGACGTCTTTATCCAGC
GATCATACCTGTTACAAGCAAGAAAGTATCTGGGAAGATTATTTAGGGATCAAAGACTCTGAAATGCATCTC
TTAGACGCATATGAGGATTTTGAATACAAGAGGATTACAGTTGAGGTCTCTTTAATGGATAGTTTGAGAGAAGC
TATTAGTTTATGCTTATGTTTGGGGCAACGAAAAGGATCCAACTTGTATGGAGACTGGGATTTTGAGGAGTG
GAGGCGAGATCATCTGGAAGCATACATTGAGATGGTCAAGGAATTTATGGAAGAGTATGAGCAGCACCCCG
GACCCTAAAATTTTATGGTCTCCAATGGAGAAGGATAGGCGATGCTAAGAACTAGCTCTCCAATCTACAGGAG
AAGAACCTTCGAAAATAAAGGGAGAGTAACCCGTTGCATCTTTGTACCTTTGTTGAATCTGGGGGATCAACCA
ATAACCCGTACGATAAGGTCAGTCAGTTGTTAAGGATTCATTGAAAATTTGTGTCATCCGATAACTTTGTAATA
TAACAATCTATTTATTCACCTTTGACTACTTATTGAGTCTAGGCAAAATATATTATTACCACTTGGCAGCACTTCC
GTTTGCATTTAAATAAGATACATTAATCTATAAAGTTGTCAAAA

>trans_s_3119 XM_002884599|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata carboxyl terminus of hsc70-
interacting protein (ATCHIP), mRNA

ACAAGAAAACCTCTTCTCTCTTTTTCTTCTCGTCTTCTCATTTCATAATTAATCATCTAAAATTACATTTCT
ACAAAGTTCTATATGTTCTGTATCTGTGGAACCAAAGAAAACCCGTATTTACATTAACCACAGCTTTGATTTCT
TGATTGGTTATGGGGCCAGGAGTCCCTTGTCTGGCGCTGCAAAACAGGCTGAGATTCTCAGGAAAGATGGG
AACCCTATTTTCAAAGGGTCAATTGGAGCTGCCATTGAAGCTTATACCGAGGCGATTACTCTATGCCCA
ATGTTCTGTGTACTTGACGAACCGTGCTTTGTGTCATCGCAAGCGGAATGATTGGAAGAAGGTGGAGGAGG
ATTGTGCGAGAGCTATTCAGCTTGATAACAGTTCTGTAAAGGCACATTACATGTTAGGATTAGCGTTATTACAA
AATAAAGAATATCCGGAAGGAATCAAACATTTGGAGAAGGCTTTGGATCTTGGTAGGGGTGAAAATCCAAAG
AGTTATATAGTAGAGGAGATATGGCAGGAACCTTGCTAAAGCAAAATACAGGGAGTGGGAACAAGCATCCACC
GAACGTTTCATGGGAATTGCAGACATTGAAAGAAGCTTGTGAGGCTGCACTTGAACAAAAATATTTCTTGACC
AATCTGAACTAGAAGGGTTCGTAGATGAAGCTGAAATTGCTCATCGGAAACAATTAATCGCTAAGAAGTG
TGTTTGAAAAAGTTGCTGAGGCAGATTCGCCATCAGAGGTACCTGATTATCTTTGTTGTAAATCACACTCGAT
ATTCTTCGCGANTCTGGTATTACTCCAGCGGGGGTACATACGAGAG

>trans_s_3120 AC002986|Arabidopsis thaliana chromosome 1 YAC YUP8H12R sequence, complete
sequence

ATTGTTATTACCAGCCTGTGTCGTAAAGGAAACACATATCCAGCATTCCAGCTTCTCTATGAAATGACAAAGTA
TGGGTTTACACCGATTCTTTTACCTATTCGTCTTTGATCCGAGGGTTATGCATGGAGGGTATGTTGAATGAAG
CAATTGAAATATTGAGTGAATGGAGGAAAATAACAAGCCTGATACTGAGAATTACAATTCATCTATTCTTGGT

TGCTGCAAATCTCGAAGAACCGATTTGGCCTTGGACGTTTTCGAAATAATGGTTGATAAGGGTTATCTGCCCA
ATGAAACGACATACACCATCCTTGTAGAAGGTATCATCCATGAAAAAGAGATGGATCTAGCAACCAAAGTACT
GAGAGAGCTGCAACTGAGGGATGTTATAAGTCAAAGAACATTGGAAAGACTTGTAATGCAGTATGACCTAAA
TGAGTTGCCACTGTGATAATTCAGTTGACTTGCTACCAGCAATTGGAAACCTGGCAGACAGTTCATCTTGAAG
ATCAAGTAATTGCTATTATGACGAAAAGAAAAAATTTAAAAAGAAAAGGGTACTTCCACGTATTTTGTGATC
TTATTACTTTGTCTGACAACTGAAAGCTTGTGAATCTGACAAGAGGGTGCTGTGTTTTTAGTTGCATTATTTAC
AACTGAGTACATGTTTTTAGTTCACTAGGCTTCTTATATGTACATAAAATTACTCCATCCAGTTCCTTATTGAGT
TTTTTGGCCATCTGTGGCCAATTTCACTTACAAAAGTTTTGGTAGTTGAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3121 NM_001050437 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0686000 (Os01g0686000)
mRNA, partial cds

ATCCACCATTTTTCTACATTTCTTCACAACAATAATTTTGCCTTTTTCTAATTCATGGGGAATTACATTTCTTGTAT
TCTCTCCACACCAATCGGTGTCAAACCTCCTCTTCTCCACCACCACCGTCATCTTCCCAGCGGCCAAATCCG
ACATTTTCACGAGTCGGTCAAGGCGGCCGAGCTCATGTTGAGATCCCCAATTTCTCCTTGTTAATTCTCAAT
CCCTTCATTTGGGTCGGAGATTTTCGGCTTTGATGGCCGATGAGGATCTCGAGATGGGTAATTTGTACCTTATG
TTTCCCATGAAGAAGGTCAATTCGGTGGTGTGCGGTGGCGGACATGGGGGCTTTGTTTCTCGCTGCCGAGCGG
GTCTCCGGCAGGAATAAGCGGCGGATTATCGGCGGTGGGGATTCTACTGTTTGTGTTTGGCCAGAGGTGGAA
ACAGAGGAATCGAAACCGAAGTTGAATTTGGATGGTAGTGGTGGTAGTGATGAGGATGACGACGACGTGGA
GGGGTTTTCGCCGGTCCCGGAATTTGGTCATCGGAGGTGATGTGTAGGTCGAGGAAGCCATTGTTGGAGAC
TATAGCTGAAGAGCCTGTATGTTGAGATGATGGGAAATTGGGGGAAAATTTAAAAGCTATTTGATTTGTTCT
TTGTTTCTATTGGGGATTTTCTTTTCGAAATTAGTGAAAGGGAAAACCCATTTGTTGATTAATTTGTAATATGG
GAAAATTAGTTGATATTAGGCTTTTGAAATCTTTCACGTGTTCAAAGAACGTGAAAATATTTGTGTAATTATGT
ACAATATTTTCGTAAATTTTTTCACTCGCGTGATAAACTAAACA

>trans_s_3122 AB294714 | *Hevea brasiliensis* HbGGPS mRNA for geranylgeranyl-diphosphate
synthase, complete cds, note: HbEST_No.08697

ATGGCAAGTGCTGATTTCCCGCATTACCTTCTCTTCCATCTCCACGTGTTTATCCTTCTCATTCTCTCCATTTCC
ATAGATTTTAGAGAGAGAACTCAGAATAATGGCCTTCTCACTCATGGCCGCATCCTCTCTTAGTACCTCTTTTG
GGAGAAAGACCCCTATTGATGTTCTTCTCTTCTTCTCCGCTCTTTCTCTCAAACCAAATCGCTTCACTTTGA
CCTAAAAACATACTGAAACAGCTGATTCTCGAGATCAACCAAAAAGCTGGATGAAGCTGTTCTAATTCAGTAT
CCAGAGCAGATCTACGAGGCTATGCGTTACTCCGTCTTGGCTCAAGGGGGCCAAGCGAGCTCCTCCCGTTATGT
GTGTCGCCGCTGCGAGCTCTTCGGCGTCGACCGCCTCGCCGCTTTCCCAACCGCCTGTGCCCTCGAAATGGTT
CATGAAGCTTCGTTGATCCATGATGACCTTCTTGCATGGATGATGACCCCTCACGGCGTGGCCAACCCTCAAA
CCATACAGTTTATGGTGTGACATGGCTATCCTTGCAGGTGATGCACTTTTCCCCCTTGGCTTCCAACATATTGT
CTCACATACACCTTTGATCTTGTGCCTGAGTCCCGCTGCTCCGTGTGGTTGCCGAGATTGCCCAGCCGTTG
GTTCCAGAGGCATGGCAGCTGGACAGTTTCTTGACCTTGAGGGAGGCCCAACTCCGTTGAATTTGTCCAAGA
AAAAAAAATTTGGTGAAATGGCCAGTGCTCTGCAGTGTGTGGAGGACTTCTAGCTGGAACAGAAGACCCTG
AGATACAGAGACTAAGAAGATACGGAAGAGCGGTCTGGG

>trans_s_3123 NM_126017 | *Arabidopsis thaliana* FNR1 (FERREDOXIN-NADP(+)-OXIDOREDUCTASE
1); NADPH dehydrogenase/ electron transporter, transferring electrons within the cycli> (FNR1)
mRNA, complete cds

ACACCAATGAACAAGGAGAGATTGTTAAAGGAGTTTGCTCTAACTTTTTATGTGACCTAAACCTGGAGCAGA
GGTGAAGATAACAGGACCTGTGGGAAAAGAAATGCTTATGCCTAAAGATCCTAATGCTACAGTTATTATGCTT
GCAACTGGAAGTGAATTGCTCCATTGAGATCTTTCTTATGGAAAATGTTCTTCGAAAAGCATGAAAACACAA
GTTTAATGGTTTGGCATGGCTGTTCTTGGGTGTCCCAACAAGTAGCTCACTTCTTTACAAAGAGGAGTTTGAG
AAAATGAAAGAGAAGTATCCGGAACCTTTAGGTTGGATTTTGCGGTTAGTAGAGAGCAAACGAACGAGAA
GGGTGAGAAGATGTACATTCAAACCTAGAATGGCTGAGTATGCTGAGGAGCTTTGGGAGTTGTTGAAGGTATA
GGGGTGGTTTGTTCATGTGTGGACTTAAGGGCATGGAGAAGGGTATTGATGACATTATGGACTCTTTGGCT
GCTAGAGATGGTATTGATTGGCAGGAATACAAGAGGCAATTGAAGAGATCAGAGCAATGGAATGTGGAAGT
TTATTGATTTTATAAAGATAACTTTGTACATTTTGACTTTTGAAAGAATCTCTCTCAACCCCTACCCCAACCTGC
ATTATTGTTGTTTTATTATCATCATTATTATTATATGTAGATATAGGTAATTTCTTTTTTTTTCTTCTTTCAAAAT
TTAAATGTATTTTTCTCCATTTTCACTTTCAATTCCATTGTTAATTATGACCTCATAAGAAAAGGAATTGTTTCT
CATTTATGAGAATCATCCACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3124 NM_125863|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L15 family protein (AT5G64670)
mRNA, complete cds

AACACCCCTACTCCCAACTCCACTTTCTCCGTCTTCTTCCACCCTCTCTTAGCCGCACAGTCACTCCATTTCTTC
TTCTTTTTCTTCCACCAGCGCTTTTGTGAGCTTCGCATCATACGACCCGTCTTCGACAGCCGCTCTCGGTCT
ACGGTGCCAACCTCCGCTTACAGCAACTACACTCCGACGAGCAGCTTTAATTGGCCGCCTCCACCATCACTAAC
ACTAACTGGCTGAATACCGATTTTCTGCAGCCACCCTTTCTCCATCGACATCGATTCTGGGTGCTCTTACTTCCC
AGGGATCGCATTTTTTATTTTAACTCCATCACGTTCTGCAAAGATTGAGTCCTTTTGCAATTATTCAGTCTC
TATCTGGATTGCTTGCGGAACATAGGCAACTGGTGATTTTATAATTTGAACCGAAAAAGGAAAAGGAAAT
GCTACGAAGACAACCTGTGTTACTTATTATCTAGCTCACTTGCCTCTGTTCTGTAATAACCCCCACCTGCTATTGT
AATAAACCAAGCATTATTGCATCCATTCTTAGAGTTCCAGCAAAACCCTTGCCTTGATCGGTGTGTAGGTTCCC
CTCTTTCTGGAAATATCTTTGGTTTTGAGCTTTTCAAGCTTTTGAAGTAAATGATCTGAGAGACAAAGTTCCAA
GGAAACAGAAGACAAGAAAGGGTCGTGGTATTGGTTCTGGGAAGGGGAAAAGTCTGGAAGAGGTCACAA
GGGCCAAAGAGCAAGAGGTTCTGGAAAGCTCGGGTTTGAAGGTGGTCAAATCCCACTGCGCCGAGGCTTCC
CTAAAGAGGGGTAAATCCTTTCAAGCTCACGTTT

>trans_s_3125 NM_001035739|Arabidopsis thaliana MYB111 (MYB DOMAIN PROTEIN 111); DNA
binding / transcription factor (MYB111) mRNA, complete cds

AGAGGTTATATAAATGTCGTAAGTACATACCCAAAGTGCTCCAATACAAAAACAAAAAGAAGAAGAATCA
TCAACAAGAATAGAGATCAGAAGAAAGATAAAAGAAAGATGGTAGTACAAGAAGAAAGTATCAGAAAAGGG
CCATGGACAGAACAAAGATTTTCAACTTGTGTGCTTTGTAGGCTTATTTGGTGATCGGCGATGGGATTTCA
TCGCCAAAGTATCAGGTTTGAAGGTGGCGGGAGAGTACAAGTACTGCTAGTCCTACCTAGCTAGGTTTGAA
AAGAACCGGGAAAAGTTGTGCTCCTCCGTTGGGTAAATTATCTCCACCCTGGTCTTAAGCGCGGTAAATGACT
CCACACGAGGAGCGTTTAGTTCACGAACTCCACTCCAAATGGGGAAATAGATGGTTCGAGAATTGCCAGGAAG
CTTCCTGGACGAACGGATAACGAAATAAAGAATTTTGGCGAACCCACATGAGAAAAGTAGCACAAGAGAAA
AAGAAGAAGAAAGACATAGTTGTCGTGTCGCCATCGACTTCATCAACTATCGACTCGGCCCAACGACGATTG
AGATTGGAGAAGAAAGCTTCTACGACACTGGGGCAAATCCATCGGAAGAACAAAAGGGTTATTGTTATACCA
TGGATGATATTTGGAGAGACATTGAAGATCAAAGTACTAATGTTGTGAAGCCACACTGTGATGATCAATTCCA
TGGCAACTTCGTCAGCTGCGGTCCGGTGGTATCACCCTGTGGGAGTATGGTCAATACTCTCCATGGAAGACA
ATTGAGGAAGACAACAAGATATATGCAGCAGGGATGAATAGTAGTATTTATGAGCA

>trans_s_3126 EU862549|Nicotiana benthamiana isolate Z3.04 PB1 domain-containing protein
mRNA, partial cds

G TTCAGTTAAAAAAAACCTCTCATTATCATTAAATGGTTACCGAACCTAAAACCTCCTCCTCCTCCTTCTTTCT
CAATTTCTCTATTCTCTCTTTCAATTCCTTTCTCTAATGGATAACTATTCCTACTCCTCCTATCCCGATTCTCG
CGACTCCTCTCCTCGTTCTGCGAAAACCTTCTTGGGACGACCCCTCTACCAATCTCAACCCACCCACCACAG
CTACAGAGTCAAATTCATGTGTAGCTATGGCGGCAAGATACAACCCAGAGCTCACGACAATCAACTTACTTAC
ACCGGCGGCGACACCAAGATTCTCGCCGTCGATCGTACTATCACTTTCTCTGCTCTTTCTCCAGGTTATCTTCT
CTCTGCTGCGACGTTACTGTTTGTTTAAGTACCAACTTCTGGCGAAGATCTCGATGCTTTGATATCTGTTACC
AACGACGAAGATCTTGAGCACATGATGTTGGAGTATGACCGGTTGTATCGTGTCTCGAAGCCTGCGAGGTTAC
GGCTTTTCTCTTTCTTTAAACCCACCTGTTGTCCGACGATTCTTGCCTCCAGGACCCCAAATCGGACAGGC
AATGGTTCGTCGATGCGTTGAATTCTGTGCGGATTCAGCCTCTGGAAGATTCTTCTCCCCGCTGTTGATCCT
CCTGGATCTGCCTCGAATCCTGATTTCTGTTGGATTTGATAAAGGTTACCATCCAATCCGGTTCAGGTTCT
AACTTAACGGATTTACCCACCTCGAACACCGCTGTGAAGGACGTTCCGCTGGGTCTGATTGTGGATCTGAAG
ATCGTCACTTAGTCGGAGAACCTGCTGTTTC

>trans_s_3127 HM122676|Malus x domestica SCL domain class transcription factor (SCL13) mRNA,
complete cds

TGACGTTGAACACAGTAATCTCATAATACAACCAGGAGAAGCATTGGCTGTAAATTTTCCATACACCTTACACC
ACATGCCAGACGAGAGCGTGAGCACACAGAATCATCGAGACCGGCTTCTTAGGCTGGTTAAAGTCTCTCACC
CAAAGTAGTAACTATTATTGAGCAGGAGTCCAACACCAACACATCTCCATTCTTCTTCTGTTTCATAGAGACGC
TAGATTATTACACTGCTATGTTTGAGTCAATAGATGTAGTCTCGTTCAAGAGATGACAAGCAGAGAATCAGGGC
AGAGCAACACTGTGTGGCCCGAGACATAGTGAACATGGTAGCTTGTGAAGGATTGAAAGGGTAGAACGTC
ATGAACTCCTTGGCAAGTGGAGGATGAGAATGAGGATGGCTGGTTTCACTCTATGTCCAATGAGCTCATCCGT
AACTGGAGCTGTTAGAAATATGTTGAGGGATTTCAATGAGAACTACAGACTCCAAGAAGTTGATGGAGCTAT
CTACCTTGATGGAAGAACAGGGCAATGGCAACCGCATCTGCATGGAGATGAAAGCTTTAAAAATCTGAATC
CCATTGCTTACTTAGTTAATGTAAATTTTGTCTCGAGCTTTCCTTTACAAGTAACTTTTAAGAGCCATGGAGC
GGTGATAACCCACATAGATTTATAGAATGTGAGGTTATTAAGGCTCTTTCTGTTTGTAGGAAGGAACCCAAA
TGTTGAAACCTGCTGTAAATTTTCTAACTTTGGCGAAAGAATTTTGTCCGCTGCTAAACACTATAGTTATAAA
GATAAATCGTATCTGATTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3128 AJ605751|Musa balbisiana AFLP fragment (AACCAG markers)

GGCAGTAAAGAAAGGAAAAAAGAAAAAAGAAACAAAAACTCACATCTCGTCCTCCAACCTCCTTGC GC
CTCTCTAATCCGGTGACGCTCTGACGACATCACGACGGCGACCCAACTTCTTCAACAACCTTCTTCCAACGCAAG
CGAAGACACACCCACGTGAGCGAAGCTGAAGCGTTTGAACGTTTGC GTAGACCTACGGCGTTCTCCGGCCAC
TGTGGTGTAGACCTACGGCGACTCGAGGGTTCCAACGTCTGTTCTGTAACTGGGACGTCAGCTTTTGA ACTC
ACGAACAGCGTGTGAATTCCCCTGAAACTCTCAAAAAAGACGTATAGGAAGCGGAAAAGTGGCATCTCAAGC
AGAGGTCAATGTTTGGATCTAAGTCTTCCATTTTGGAAACCGGTACTGCTGCTGATAAGGTCGAGAAGTCAGC
GAAGAGCGAGTTTTTCTGGCCTGAAACTTCGTTCTGATAAAGATGTGTATCGTCTGGCGATCCGGTTGTTG
T TACTATTGAAATTTGTTCTCTGTCCCTCAATTGGACTGCTCTCTTTTGATCGAACGACTTCGTTTTGAGATTAT
TGGGCTCCAGAAGTTGGACGCCCAGTGGTTTAGCACTCAGAAGCCAATTCCTGGATCGAAACAACGGAGAGG
TGAATACATTTTCATGGACTGCTCGGTACAGTCAATAGTTTCAAATCAGATAATATCTTCGGGGGCTATGAAGT
CATATGTGGTTCGATCAACGCTTCTACATGCATACCACCATCTTACAAGGGTGCCACTATTCGCTATATGTATT
GTGTTAAAAGCACATTAGTAGGACGATGGCTATCACAGGAAAATT

>trans_s_3129 NM_001185319|Oryza sativa Japonica Group Os01g0236800 (Os01g0236800)
mRNA, complete cds

AGGAGGAAGATGAGAAATAGAAATTCATGGGGTGAAAAAAAAGCCAATTTTCTTCTTTATTTTGTAGATTC
AGCCACTTCTTTGTACTAGAGAGACTATGCAAGGAAGCTGAAACCATTTTTAGAGGTAGTGAAGTCAATTTGT
CAGCCAAACTAGGTGGGATTCAATTGGCATTACGGAACAAAGTCTCACCCATCAGAGTTGACAGCTGGATACTA
CAATACTTCGATCCGAGACGGGTATCTCCCAATTGTTTCGCATGTTCCGGTAGGTATAAGTTTACCATTTGTTGTT
CATGTTTCGAAATGAAAGACGTGGTTGAAAAGCAAATGAACCCTGTGAGTAGCCAGAAAGGGTTTCTTCGGC
AGCTGCTGACGGCTGCTCGGGTGTGTGGCGTACCTTTGGAAGGTGAAAACCTGTCATCGAGGTTGGATGACG
ACTCGTTTCAACAGGTTGTAAAGATGTCGAGGGTTTATACAGATGGGTTGGAGAAGCCCTTGTTTTCTTTCAAT
CTTGTGAGGATGGACAAGACATGTTTCGAGTATAGTAATTGGGTTTCGATTTTACACGTTTTGTGAGGCAGATG
TCTGATACCCTCCAAGCTTTTTTCGAGCCAAGCTAGATCCCTGAAATAACAGAGGCCTCTCGACAGATATTACT
GCTTCAAGATTGGCCCTTGATATCACTGAAGTTAATGTCGCATGAATCATTCAATGGTTCTTGATGTAGTAT
GCTCTATAATGTAATATTGTATAAACTACCGATCAGTCAAGAATATATAAATTATGTAGCAACTCCCCGTATAC
ACACCCAAATTGATATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3130 AY111016|Zea mays CL9048_1 mRNA sequence

TTACTTAAGAACAGGAGAGGTTTCAGAACTCTACTCCATTGAGCTGAACTTCAGTTTGATCTCTTATTTATATTTT
CTAGTTACAAGGAAATCTCTAAGATTGCAGGTGTCTGGTTCTTCTCTGCCCACAAGTCTCCTGTTAGGTCTCA
GCCGCCCTCTTTGGATTTGCTCGGGAAGTCTCCTTAATTCTATGACTACTCTCGAAAGAGCTGCTGAAGAAA
GATCATTGCTATTAAATAAGATTCAAGACATAAATGAACTGTCGAGACAGGATGTAGAGGGAATTATTGTACT
GTGTGTTGGCGAAGATTTTGCTTCATTATCCGATAACATCCAGAGAAGGAGATATGTTGCCATGATTGAAATG
TGCAAGGTTGTTGGAAATAAAAATCAGATGATTACATTATTACTTCTCTTACTGAATATATCTTAAATGTCATT
CTTATCCATTTCCAAGACAGCACCTTTATTCCAGTGGTAATGCAAATATTAAAGCAATTCATATCATGCCGAG
TCTGACTCTGCACAGGAAATAACTTCATTATGTGGAAAATTGATTCTATCTTAGAAAGGCTTGAGTTGCTAAG
CGAGAATAAAGTAGGACACAATCTCAAGGTTTTTCGAGATTGGTGACTTCACTCAAGGAGCTGGCAATTCAA
AAGTTAGCTCTATGAGGGGCTGTATTATATGCTACCATCCTGTACCAAGCACTGGTTAATATTATGTTAATGA
TCTGATTTGTTCTACCATATGAAATTATTTCTCTCTTTCTGCGTAAGCTTACTCTTTTGGTAATAGTCAGGTT
TATTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3131 NM_001052913|Oryza sativa Japonica Group Os02g0234200 (Os02g0234200)
mRNA, complete cds

TCTCAGACATATCCTCCTTTAGAACTGAGTACAGTGAAAAACCATACAAGGAAGCGTCAAGCTCGGTCATGG
ACAGTGTAAGGAGGAACCAGGATGGCCTTCATTTGGACGACTCATCATTGATCTTTCCAACTGGCTCTTGA
AGCAGTGGCTAGCATTTTTCTTTCTTTGTTCCGGCTCGTTTCAGAGCTCGTAACAACCAAAAAGGCCTAACTC
CATTGAAAGATTCTCTCAGGATGCCTGAAGATGAACCGAAGCAACCAACAGTTCAAATGCAGAGAACTCCTGT
CCCTCTGACTGAAACAAGACAAGCTCATACAGTCGATACAAGAGATCCCTTTCCTGAGGTGATGAAGCCTTCA
AAGCTCAACACAAGTAGTTTCAAAGATCCCTCGCTGCAAAGCAAGCACCGATCCTCAAAACGTCAAGAGCATG
CTGATTTTTACAGATCAGGTGAGATAGCTCCGCCTTATAGCAGGTCCAAGAGCCAAAAGAGAGACCCCGAC
ACCGACAGCGTGAGAAAAGTGCAGAGATTAGTTACGGAGCTGTAGGATCTGAGCCAAAGCCAGTGGAGATG
AAGCTAGCCGATTATGACAATCCAAAGTATGAACATTATAATATCAGGAATAAGTATGGACTAAATGGTTCCT
TCGGATTCTAACTACCGGGAATCTTTCAATTCCCCTCCAGGTTAGCTTCCATTTCTGGCACGATTTTGACCTGCC
TTACATTGACTCATCGTTGCAAACAACCTCAAAACGAACCTCCACATTGCTAGAGATCGATGTATAATTCTATATT
TGGAGGCCCTGTACTGGTAAAAGTTGAATGGTGAGGTGGAGAACT

>trans_s_3132 AB231680|Physcomitrella patens NRT2;5 gene for nitrate transporter, complete cds

TCCTTTTAAATCAAACCTAAGAGGAGTGTTAAATTTTGAAAACTGTAGGGAGGACCCAAGACTCAAATCTGC
TCTTCTGCTCACTCAGCTACGTGTGAAAGTATTGTCTTTTCCCAGATAGCGCTGGAGAATCTGGTGCGCAAAT
GAATTCTTGTTTTTTTTTCCCTCGCCTATCATTTCTCCCTTCCCTTCCCTCGCCTATCATTATGATTTGTTTT
CATTACTTCTTGTTCTATTGATTATCTTCTACCATATATTCATTTGTAGGAATTAAGGAATTTGAACCAAGCA
AAGTTTTTAAAGGATATATAGAAAAATTAAGTAAATTAGGCAAAAAATACATTCAACCAAGAAATTTTGAAG
GCAACTTGAATTTGTATTAATTTGTGTAGTGGTAAAATACAATTTCTACTACAGAATCCTTCTTATTTTTAAAAA
TGTTTAGGGTTTAGGGTTTAGGGTTCATTAACCTGAACATTTATTCTCATGTATTTTGATTTTCTTGGTTGGGAT
TTGGTTTATCAATCTTCTTAGATTGACGTTAAACCTTGACTTGTTGATCTTCAACTTTTGATCAAACGATCGTTAT
GAGGATGAGACTTGGAGAGAGGATAGTAAAAGGGAAGGCCCAACAAGAGCCCACATCATCAAAGTTGTAAA
GTTGATGGCTCAGCCCAATCTAAAACTTCTACCACGCTTGGGCTTGGCCCAACCGAACACAGCAACTTTTTTC
TTCATCTTCGAAATATAACCATTTCTTATGTTTTATAAAAAATATTTAGAGGTGTATCTAATTTGGAATCATTG
CCAGGGTTGTAATTTTCAGATATATTCTATTAA

>trans_s_3133 BT022014|Arabidopsis thaliana At3g56430 gene, complete cds

CGATGTGACTACATAAGTTGCTCAGAAATATCCTTGGCCGACAGGCACGGGTAATCTTCGAAATTTTCATCGTG
ATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTTAACGAGAAATCTTAGTAAGTGCAAGTTATCAGCTTGCGTT
GACTACGCCCTGCCCTTTGTACGCACCAAATGTTTGTTAAGTTTTCTTTTTTGGGACTAGAAACCATCAATTC
TTATGAAATTTTGTAGAAAAAGCTTTGCAATATCTTATGCCTTTGTGTTGGGCAATTGTCTCAACCAGATTTTCT
TTAATTGTTTCACTCTCGATGGTGTGGGTTCTCACGAATTATTCTCCATCCTTGGTTTTTTAAGGACCCTGATA
GGAAAATAGTGGATTATTAGTAGAAAAATGAAGATGGTTATTAGTGGGGGCATATTGGTAGTTAGTAAGTTAG
GTCTTTTTGTTACAAATAGTAGGGAGAGGAGTTAGGGAGAGGAAGAATTCTGTAGAAAGATTTCTTGTAAG
GGAACCTTGGGAGAGTCTAGCCCTCTCGAAAAGGCTAGGGTACTTTGTTTCTTGTTCCTATGATCTTTTAGTA
TATATTTCATATTAATTGTTCTTTAAGTGTTCTTGAAGGATCCTAATAGGTCTCTGGTGGGTTCTCACGGATA
AATTGTGATAATGTTAGGCAGATTCTTTGTGGCCTAGAACCTAGAAGCTTTTGTCTACAGTCTCAGTTAAATC
CATTGTCTTTAAATTATTGACGGAAAGAAATCAACCTATTTTTTAGGGGAAGCTTTTGCAAATTTGAATCAGC
TCTTGAAAGTCTTCCCCTTGGTGTCTGTTACCAAAGGAT

>trans_s_3134 NM_100418|Arabidopsis thaliana photosystem II 11 kDa protein-related
(AT1G05385) mRNA, complete cds

ATATCTCAAATTAAGAACTGGAGAAACCATTTCCATCTCCATCTCCATCTCCATCTCCATCTCCATTTCCATTTCC
CCAATTATCCTCTTTCAGTTCATTTTCCCCAATTAGGTTTAAATCTTTCTTCTTCTCCGGATTTTGCTTCCAC
CGATTCTACGCCGGTTCAGAACTTCATGCATTGCTGCCACAAAGTTAAGAATTAGGGTATAGCTGGAGTAACT
AAGAAGAACGAAGATGGCCGATTTATTCAAGCAAAGTTCTGCCCTAGGACTATTTCAACATTGGATAGAAGC
TTAATAAGTGAAAATGGGCGTAAACTACCATCCAGGTCTCAAGTAGCGCTTCCATCTCAAGAAATTTGTAGAC
GTCATTTGGTATGGAATGGCATGTCATTGGTTGTGTTTCTCACATTTAACAATGGATTGACACCATCTTCGGCC
CACGCTGAAGAAATGCCAAATAACATGGAGGAAGAGGATAATGGAGTTATCGGGACGATCAAATCAATATTT
GATCCAAATGAAAGAACCAATCAGGGAAAGTATTGCCAAAGGCTTACTTGAAGTCTGCAAGGGAGGTGGTG
AAGACACTGCGTGAGTCATTGCAGGAAGACCCCAAGGATGGTGCTAAATTTAGACGAACTGCAGATGCTGCA
AAGGAATCCATTCGTGATTATTTAAGCAATTGGGTGGGGAAACAACTCTTGTTCAAGAGGAATCTTACGTTG
TGTTGGAGAAAGCAATTAGGTCATTGGCAGGTTTTATGCAAAGGCCGGGCCATCTGCGCCACTGCCAGAAG
CTGTTAAATCGGATATTCTAGATGATTTGGATAAGGGTGAAGCAT

>trans_s_3135 Novel Gene

ATCTTCCGTCCTGAGATTATCTCCTTCTCTTTAACTTTAATTTCCGATTTGTTTTGATTTTCATTGTCTTCT
CCTTCAATAGAAGCGAAATGCGTTTGATATCTTGAATCGTTATTTTCTCTCTTTAAAAATTTTCGATGAAATG
GGTTGGTTATTCTGAATTGGCTCTATCATCGAGTCAGCAGCAGGCGCCGTATTAATGGCGATCCGTCTGCCGC
ATGGAGCCGATATTTTGTACCGGAGGAAGATCCTTGAACTTAATAGTTTTAAGATACAATGCCCCGTCGAC
ATTTTTTAAAAATTTCTAATCCCATTATCTGCAATTAGGTCTTTGTAGGGTTTTTGAATTAGAGTTTGAATTGGCA
TTAAATCAGACACGGGTGTTTGTTCATTAATCTTACAACAAACAACCTTTGCACGGTGCCTATATTGAGCTA
CTGAACACGATTGGGGGAATCTATTATTGTTTTATATGGTATCCTTCAAATTTCAAGCAGCGAAATTTCTGAATT
CTTAGTAAATATGTTTTTGGTTTACATAAGCTGATTTGCAAATAGGGTTTTTGGTTTTTGGTTAGAATGTATTCA
AACATTTAATAAGAAACCTTATCCTCTAATCTGCTAGAATCATTTGCTTGAACCTATCTAACTCTGTGTTTGTGTT
TGTGTAGTCTCAGAAAACGCTTTTTCATTTGTTGGAACAATCCGGATGAGAGACTAATCGTGGGTTTCTTGCCT
ATCATCCGTCACGGTTGGCATAGGGATAATTCGTTTTCGTTATCACTGTTTCTAATGTTTGATTTCAATTTGGGC
AAGAAAAAACTGTGATGGTTTAAGAGTTCTG

>trans_s_3136 NM_001071439|Oryza sativa Japonica Group Os10g0486900 (Os10g0486900)
mRNA, complete cds

AAAAACCCAAATCCTCAGAACCAAATCATTTCTAAATCTCTTCACAAATTCGGTTGATCCCTGTAGAAAAATGG
TCCGCATAGAAATGGAGGAACACCAGGACGAAGTTCCCAATCCTCCCAACCCCTCTGCATCGGCCAAAACGAC
GACGGATTCAAGCAGCGGTCCGTCAACATCCAATGCGAGCAAAAACCCCTCCGATGGTTACGAGACTGCCAG
CGATGGGGAGCTTGGTGATAGTGCCGATGAGTGTCAAGAGAATCCTGATCAACATTCAGAACAGGGGGGAAC
GAATTGCCACGATCAGTGAAGATGAGATTAAAGAGAAAGCCTTGGCTGAAGCAAATAATGCAAAGTTGGCGG
GAAACAAACTGTTTGGAGAAGGAAAATATGAGGAGGCAATATCTGAGTATGATCGTGCTTTAAACATTGCTCC
GGACGTGCCCCGTTGCGGTGGAGTTACGGTCCATATGCAATGCAAATCGTGCGCTTGTTCCTAAACTAGAA
AAATATGATGACACTATCAAAGCATGCTCCAAGGCAATTGAGCTGAATCCTGCATATGTCAAAGCTTTGTCTA
GAAGAGGAGAGGCTCATGAGAAGCTTGAACACTTTGAGGAGGCCATTAATGATATGAAAAAGATATTGGAAT
TGGATTCATCAAATGACCAAGCTAAGAAGACTATCCGTCGCCTTGAACCACTAGCCGAACAAAAACGAGAAAA
GATGAAAGAAGAGATGATCGGAAAGTTGAAAGACATGGGCAATTCTTTGTTGGGTCGTTTTGGTATGAGCGT
GGACAACTTNCAGGCTGTCAAAGACCCAAATACCGGTTCCCTATTCAATTTTCATT

>trans_s_3137 EU824050|Populus tremula isolate swl312-64E thioredoxin-related protein gene,
partial cds

TCCAGCTTCGTGCTTCTTCTGTACACTCAAGAGGATAGAGAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAATAGACTTTGGGAAT
AAATTCCATTTCTTTCACTCTCCATCTTCATCTTCATCATCCCCATCTTTAGGGTTCCCTTCCCATCTTCTTCTTCT
CTTTACCTTCACTTCACATTCACAAAGGGAGGAGAGGAAGGATGTGCGACTGGAAACACCCATTGGTGTATAG
ATGCGAACAGTCAGTTCGACTTCGTGGGCGAGACATGACTTGCCCTAGCTGTAATGGAGGATTTGTTCAAGAA
CTGGATGAAATGACGGAAAGAAGTCCCCTTGATTTATTTGGAGCCAGTGGAATGAATACCAAAACCGCAGG
CTCGGACTCTTGGAGCTTTTCTCAAACCTTATGAGGCAACGAATGGTAGACAGAAATGATATCAGGGGAAGGT
TGGACTCAATTCCAGATCATGGTCCTGGATTTGGTCCTTGGTTGATCTTTGGTGGCCAAATTCCTGTTAGATTG
TCTGGACATGGTGGATTTGAAGCGTTTTTTAATGGGGTACCTGGAATTGGTGTGAGTAGGAGCAATGGTGGT
GATTATTTTATTGGTCCTGGACTTGAAGAATTGTTTGAACAGCTTTCTGCAAACGATCGACGAGGGGCCACCCCC
AGCATCTAGATCTTCGATTGATGCAATGCCTGTTGTTAAATTACACAAAGACATATTGTTCCAATTCACACT
GTCCTGTTTGCCAAGATAAATTTGAATTGGGATCTGAGGCTAGGCAAATGCCATGTGACCATATGTATCATTCA
GATTGTATCGTTCCTGGCTAGTCCAGCACAACTCCTGCCCT

>trans_s_3138 NM_001049056|Oryza sativa Japonica Group Os01g0235300 (Os01g0235300)
mRNA, complete cds

AACAGGGATCGAAGCAGAATGGTGAATCCGAAATTATCAATCTTCTCTCAATCTCTGGTGTCTTCTCAGTCT
TTACATCGCCATCGAATCACCCCAATACGCTGTTGTTTCATTGAGAAATCAGACTTCGAAATCAGATTTTACAGAA
AGTCCACTTGGATCTCAGCTCCCGTCCAAAACCCATCCTTCGAGAAAGCTACAAAAAATGGTTTCCACAGACTG
TTCCAGTATATACAAGGTGCCAATCTGAATTGGTCAAGGATTGCCATGACTGCTCCTGTCTTGACCAGCATTGT
CCCTGGGGCTGGCCCTCTCACTCTTCTCTTATCGTGTTCAATTCTATCTGCCACTTAAGTTCCAAGCTTCACCC
CCTCTTCTCTTCTGAACTGAACTGAAGCCCTGTGATTGGGAAGCTCATTGTGTTGCAGTTAGGAAGTTCTC
TGGATTTGCAAGGGACGAGAAGGTGATAAAGGAAGCAGAGAAACTTGCCACCAGCTTGAGTAGGTTCCCTTT
GGCGAATTCCACCTCTGAAAGGGGTTATGCATATGCCATTGCCCAGTACGACTCTCCCTCCGGTTGATTGGAC
GAGTAAATGAAGTCTGGGTCGATGTTGATGCAGCTGATTTGGAGGGATGTAAATCCAGTGCCATTGCTGCATT
TTAATCTTGAAGTAGGGAGGAGGAACCTATGTTTCAATCTGTCCATATGAAGTTTGCTGGATATGTATTTCAAT
TTCGGTTAACATGTCTGCTTCGTCTATCTGCCTATGTAAATCGTTCACTTCCTAGTGAACGTTATGTACTTCAGA
GACAACTCCATGTCTAACACATTATCCTAATGAACAAG

>trans_s_3139 AB024276|Citrus unshiu (CitVATP c-3) mRNA for vacuolar H⁺-ATPase c subunit,
complete cds

TGTGGAGGAAGAGAGAGATTGAGAGCGGTTCCGTTCAACCCAGAAAAGATGTCGTCCACCTTCAGCGGCGAT
GAAACGGGCACCCTTTTTCGGCTCCTAGGCGCCGCTGCAGCTCTCGTCTTCTCCTGTATGGGAGCTGCTTATGG
AACTGCGAAGAGCGGGGTGGGAGTTGCGTCTATGGGAGTAATGAGGCCTGAACTTGTGATGAAGTCAATTGT
TCCGGTGGTTATGGCTGGAGTTTTGGGTATTTATGGTCTTATTATTGCTGTGATTATTAGTACAGGGATTAACC
CTAAGGCCAAATCTTATTACCTCTTCGATGGTTACGCACATCTCTCCTCTGGGCTTGCTTGTGGACTTGCCGGTC
TGTCCGCTGGCATGGCTATCGGGATCGTTGGTGATGCTGGTGTTAGAGCCAATGCACAGCAGCCTAAGCTTTT
CGTAGGGATGATTCTTATTTTAATTTTTGCCGAAGCTTTGGCACTCTATGGACTTATTGTGGGCATCATTCTCTC
TTCCCGAGCTGGTCAGTCAAGAGCCGATTAAGTGGATGCTGTATGTGGACTCGAGTTTGTGTAGTATATGTCT
CTTCTTTTGTTTTTTGGTCAAGAATTGGTTTTTGTACTCTTTAAGTAAATGGGTTATTATTATGGTTTAAGCCTAC
TGTCAAATGTCTTGTGAGGTGTGATTGCTAATACCACACGAATCCTATAGTTGTTATATATGGATTTGGAATTA
ATTATTCTTCTCAATAAAATATTAAATTCTATTACTTTTAACATTACTCCAATTTTAATGAAGCTTCCCTCCCTCTA
AGTCTGGGTGTTTGAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3140 XM_002884150|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata catalytic/ coenzyme binding
protein, mRNA

TTATCAAAACTCTTCGCCTCGTTAATTAAAGCGCTTCCCTCTCTCTTTCCCTCTCTCCACCGTTGCTCACTCC
GATCCGATTCCAATCAAAGATGCAGGCCCTTTCGAGGCGTCTAGTGCAGCAGCAGCAGCAGAGTCTCAGCTCT
TCTTCCTCAATTTCTTCTATCAAGTTCATATACCCTCTTCTCATCACTATTGTGGGGCTGATCGTCCACGATATG
ATTCCACTTTGGCTACGAGGGGTGTCGGGCACCTTGCCCGTAAGGGCACTGGTGGGAGATCGTCTGTTAGTG
GGATTGTTGCTACTGTCTTCGGAGCTACTGGATTCCCTGGCCGATATGTTGTACAGCAACTAGCTAAAATGGG
TTCCCAAGTGTTAGTCCCTTTTCGGGGTTCTGAAGATTCACCTCGACATCTTAAAAAATGGGAGATCTGGGAC
AGATAGTACCGATGAAATACAATCCAAGAGATGAAAGTTCAGTAAAAGCTGTAATGGCAAAGGCTAATGTGG
TCCTTAATCTTATTGGAAGAGAGTATGAAACAAGAACTACAGCTTCGAGGAAGTAAATCATTCCATGGCAGA
ACAATTGCCACGATTGCCAAAGAACATGGTGGTATCTTGAGATTTATACAAGTTTCCTGCCTGGGTGCATCTT
CATCATCTCCATCCAGATTTCTAAGATCTAAAGCTGCTGGCGAGGAATCTGTTTTAAAGGCATTCCCTGAGGCT
ACAATTCTGAGACCTGCAACTATGATTGCTACAGAGGACCGTATTATGAATCCATGGGCACATTTTGCTAAAA
AATATGGCTTCATTCCACTTTTTGGAATGGATCTACAAA

>trans_s_3141 AJ422053|Beta vulgaris mRNA for exocellular acid invertase 2 (exinv2 gene)

GCTTGAGAAAGCCACTTACGGAGCATTTGTCGACATGGACCCTCTTCGTGAAACGATATCCTTAAGAAGCCTG
ATAGACCATTCTATCATTGAAAGTTTTGGTGGGAATGGGAAAGCCTGCATCACTGCAAGAGTATATCCAAAGA
TAGCCATAAACCAAGAAGCCCATCTTTATGCATTCAACAATGGAAGTATGGATGTAAGAATTTCAAGACTAAG
TGGTTGGAGCATGAAGAGAGCCCAAGTTGTTCCCATCCAGAAGAGAAGAAAATCACCCATTGGTTGAGATAT
AAAAATTCCAAACGTATTTTTAGGTTATATTATTTTAAACAATAAAGCAAGCACACACACATATTCTCTTTTA
AACACAAAGTTAGAATCATTTAAAACTTGAGATTAAAGTATAGTATAGTGAACAAATTGGTATAGTTGTGCT
TCCAATCATGCATCTGAGTGAAAAGAAAGTAAAGAATACAACAGATTCTTAAAAGCAAGTGAGGAAGCAAAT
GTAGAAGACAGAATATTTTTTAGGGCAAATGGTTACAAACACTCCTACTATGATAGTAGTTGCAATTATCCGAT
CTTTATCATTTGGGGGCCGAATTTCCACGACTATTGTAAGTTAATTAAAGGGTCCAATTTTAACTTGTAAAA
GTTTCAGAATGTAGTTCAACCACTACTATAACAATCACTTCATAAAACATTTTGAATTTGTCCTCTTTTAA
TATGGAATTGATCTAACATTAATTTGGTCTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3142 NM_001056193 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0266700 (Os03g0266700)
mRNA, complete cds

GTCGACTTATGTTTCGTTGTGTTGTAGGCCTTGATGATAAAATTAGGGCATTTCGGTACGGAACCATTATTGGC
TGATGAAGCTGAAATCCAGTGCCATCAGCAGCTTCATAATCTTTACAATTCTACCAGGACAGCTAAGCATTTC
AGAAGAATATCGTTTCGAGGTATTGAAGGTTTTATTTCTTTGAGTACAAAGCAAATGGCGATTGTGAGGAGGTT
AGCTGATGATTGTAGCAAATATGGAGCCAATAATCAGAATAGCTGTCCACCCCTTGCGACGGCTGTTCTTAATT
TCAGTACATCGCATAGTTCAATTGAAGACAAGAGGGGAAGCTTTACTTGGAATCCTGGGAGATCAGGTATAAAC
CTCAGGTATGTGATCCTCTACGTGCGCAAATAACAGGGGCACCTTTGGAGGATGCCCGTCATCTAACATACCG
TTACGATAAACTGCGACAAGAAGTGGAATCCAGGCAGCTGAAGTTATGAGACGCCGAGCTAAGTCAAGAGA
CTCTTCTATTTTCGGCCGAGAGTGCCACAAGGCTTGAAATGCAGAAGCAAGATTAAGTGAAGTCTAAGTCTACA
ATGATGGCACTGGGTAGAGAAGCAACCACTGCTATGCAATCGTTGAGGCACAACAGCAACAAGTAACTTAT
GAAAGACTTCGTAATGTTGGTGGACGCTGAGAGATCTTACCACCAACATGCCCTTACTAATTTAGAAAGGCTGA
ATTATGAGTTGATTGAGTTGGCACAATCAGATGGGTCTTTGTCAACCGCGGCCCTTGACGAGACACAAATAC
AGTACCCACAATTAGAAATGGAGAGGAAAGTGATCAACCATCTGAGT

>trans_s_3143 XM_002885195 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* transducin family protein, mRNA

GTTATTCATTTCCCTATTTTGTCTGACGACGGCGCGAACCATCGGAATGGCTCTTTCGGTGGACTGTCGCCGGA
GTTAGTCCAAACGCCATTGTAATTTTCGGGACTCGGGAGCACCATCTCTTTCATGGATTCTTTCAAGTTTCTCCC
TATCAGTCTAACTCCTTCGGAGACCACCAATCCATTAGGGTTCTTCAGAGTTGCGATCCTATTCCACCCGTGAT
CGCGAGCTCTGACCGATTAAACAACTGGGCGCTTGTCTCGTCTCCATAAGTGCCTCCAAGTTATATTGCTCT
GTCTCCTCAAGGGTTTTATGATCCCTTTTCGCTTTTGACTTGAGGATGTCCATGTTCTGAAAGTTTGAAGAGATT
AAGATGACTCAACCATCAGTGATACTTGCAACTGCTAGCTATGATCATACTATTAGGTTTTGGGAGGCCAAAA
GTGGTCGCTGTTACCGAACCATAACAATATCCTGATTCTCAAGTTAATAGACTGGAGATTACCCAGACAAAAG
ATATTTGGCTGCTGCTGGTAATCCTCACATACGGTTGTTTGATATCAATTCAAACAGCCCTCAACCAATAATGA
GTTATGATTCACATACTAACAATGTAATGTCAGTGGGGTTTCAATGTGATGGGAACTGGATGTATTCAGGTTT
TGAGGATGGCACAGTAAAAATATGGGATTTAAGGGCTCCTGGTTGTGAGAGAGAGTATGAAAGTCGTGCTGC
AGTTAACACCGTTGTTTTACATCCTAATCAGACTGAACTGATATCTGGAGATCAAATGGTAATATCCGTGTGT
GGGATTTGACTGCAAATTCATGCAGCTGTGAATTGGTGC

>trans_s_3144 BT022040 | *Arabidopsis thaliana* At3g59800 gene, complete cds

ACTGGGTCTTCTTCGTTCTGCTCTCCCTCTCATCTTCTTTTGTCGACGACCGACCGGCACTCTGGCGTGCCACT
AACGCCACTGCGGGCCTTCTTCGTTGCCGTGAGCTTTTCGCTTCTTCGTTGACTTCACGCCTAACGCCCCACTGG
AATCATCTTCTTCGTATATTTGTGCTTCTTAATTGATTTCTTGCCTGGACATATTTGAAATGGGTAAGAATCAA
GCATACAAAGCAATGCAGAAAGCTAGGCTGGGATCCTCAAGCTCGACTGGGCCAGCTGAGATTGAAGATGG
AATGGTGGATGGTTCATTTCAATCACCAGCGTGGCATGCTGCTCGTTGGCCAGCCTTAATACTTCTCACACGG
TTACCTGGGAGGAGTATAAAAGGAAGCAAAAAGAAGATGAGTTGAAAAGGGGAGAGCTGGAAGCAGATAC
GGATAGAATGATGAAAGAATATAGAGCACAATTGGATGCTGAGCGTGCACGAAAACTTGCTCATGGAAGAAA
TCGTTCTAGTAGCAAGACTGGTCATGAAAAGGATAGGAAGAACAGAGAATTAAAGAAGCGGAGCAAAAAA
AGAGAAAGGTGCTGACATTGTTAACTCTTACTACCCGATTGAGCTATATTGCTTTTTGATAATGCTTGCTCCT
TTGAGTTGATAAGTATTGTTAACTTGATGCCACTCAAGTTACTTTGGTCATTTTGGTAGTATGAGCACTATGA
AATCATGAAACATCCCTTTAGCACCAGGGGTATTTGGGTGTCTAGTTTAATTTAATCTGGTAAACTTTGGTGA
TTTTCAAGTCAATAAATTCTGTAAACCGATTTCTTCATTTAT

>trans_s_3145 NM_102605|Arabidopsis thaliana NSL1 (necrotic spotted lesions 1) (NSL1) mRNA,
complete cds

CTCCCCTTTTTGTATTATATCTTTGAATTCTCTCTTCCCCATTTTCTTCGGTCAAACTTGGAECTCTGCAAT
ACGCTTTGAAAACAGCAACCTCCACTTTCAATCTTTCAACGCCATAATTCTGGGTTTTCTTCTTTGTAGTCG
TCGCCTTTTCCCCTTCCATCAAAACCCTAAAGGTATTCCATCCAATTCGACGGAATTTTGGTGTTTGTCCGTTG
AGAAATGTCTTCAACATCAACCGGTTCAATCCTCAATCAGCCGCCGAGAAAGCGGTTTCAGTTATCGGCTTCG
GCTACGATCTCTGTAACGATTTGCGATTGTCTTCTGCAAGCCGGGTCCATCGGGGTCTAACTGATCGATATC
GACTTCACTCGAAGTAGAGACCTTGACTTCCGGCCGGCGTTGTGCTCCCTAATGTTCTACTTCCATCAACTG
TGATAAAGGCGAGCGTACCCGATTCCGGTCGGATGTCATCTCCTTCAATCAGATGTCGGAGCTATTTAATCAG
CAATTATCTCTATCTGGGAAAAATCCGTCGGGGTCTTTAACACCATGTTTGGATTAAAGGGTTGCTGGCAAAA
CGATGCACGTTCCACAAGAAGTCTTGCAATTTGATGGTTGTTTCATTACACTTTATAACATTGAGTTGGAAAAAT
CTCATATAACTCTCTCTGAGCAAGTCGAAAGGGAGGTTCTTCTTCATGGGATCCTGCTGCCCTTGCAGAGTTC
ATTGAGAAATATGGTACTCATGTGGCTGTGGATGTAAAAATGGGAGGAAAAGATGTCATTTTCATGAGGCAA
TTACGAGAATCGAATGTAGAGAAAACCGATGTGC

>trans_s_3146 AB079671|Arabidopsis thaliana AtPPC4;2 mRNA for protein phosphatase 2C,
complete cds

ATCTAAAAAGAAAAAGAAAGCACACTAAAAGATAGATCTCTCTTCTCCCTTTCGCTGAACTAGTGTTGC
AAGCGCCTTGCGCGCTTGAAAAATGGGGATATATCTCAGCTCCCCAAAACAGAAAAGGCCTCAGATGATGG
TGAGAAATGACAGACTTCGATACGGCCTATCCTCTATGCAAGGGTGGCGTGCAACCATGGAAGATGCTAATGC
AGCCTGTCTAGATTTGGACACATCAACATCTTTCTTTGGTGTTTCATGACGGCCATGGAGGTAAAGCAGTTTCAA
AGTTCTGTGCCAAGTATCTTCACCGACAGGTGCTCAAGCATGAATCATACATGGCTGGAGATCTGGGAACTTC
TCTTCAGAAGGCCTTTCTCAGAATGGATGAAATGATGCGGGGACAAAGAAGATGGAGAGAATTAGCTATTTT
AGGAGACAAAATGGACAAGATTTCTGGTATGATAGAAGGATTTATATGGTCGCCCAAGGGCAATGAAGCTAA
CAACCAAGTGGATGATTGGCCTCCGGAGGAGGGACCTCACTCTGACTTTTCATGGACCAAATGCTGGAAGTAC
AGCTTGTTGCAATCATACGAAATAACCAACTTGTTGGTGGCAATGCTGGTGATTCTCGCTGTGTCAATTTCCA
GAAAGGGTCAGGCATATAATCTATCTAAGGATCACAAGCCTGATCTTGAGGTTGAGAAGGACAGAATTCTGA
AAGCTGGTGGTTTCATCCGAGTTGGTCGCGTCAATGGCAGTCTCAACTTGGCACGGGCTATAGGAGACATGG
AATTTAAGCAGAATAAAATATGCCCGCAGAAAAGCAGATTGTAAGTCCAAT

>trans_s_3147 XM_002872885|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UBX domain-containing protein,
mRNA

TCCACCGAAAAATCCCTTCTTTCTCTCTGCCTCTTCCGATTCCCGAGACAATTCGGAGCAATGGTCCGGCCGGA
TCAAGAAGCCATCGAAACCTTCATGAGAATCACCGGAGCTTCCGAATCTCTCGCCCTCCGCAAGCTCGAGGAA
TACAGAGGCAATGTCAATGCAGCAGTCAATTCTCATTTAGTGAAGGGTACAGTTTCAATCAATATGTTGCACC
CACCTACCCAGAGCATAACTTCACCGATGCAAGTGGTGGGAGTCAAGGTGGACAATATGGCTTTTGGCCACTT
CTTCGTGCTGCCAGAAGTTTCAGACCATCAAACCTTCTCGATCCAAATTATAGAAGAAATTTGTTTGACCAGAT
GCGTGGATATCCATCACTTGGCCTTCCTTCTTCTAATTCACATTCACAACCAGGTGGTATGGAGCGAATTCCTTC
AGAGTTCAATAACCTTCTCTGCGCAACCATCTCATCAAGCATGGAGAGCCAACTTCGAGGATGAAAATCACACT
TCATCATCCAGGAATCAGATAAGAGAGAGTGACTCCGAGGATGAAATGCTTAGAGCTGCTATCGAGGCTTCA
AAACAGGATTCTGATCTTCAGCTCTTGCAAAGGCAACTTCAGCAGGAGGAGGAGGATCTTGCTCATGCAGTTT
CCTTGTCGCTGAGAATGGCTGAGCAAGAGAAAGCAGTCCGTGAATTGATGGTAGAGAACACAGATGAAGCTA
CAAGCATAGGAAGGAGAGGACCTAGCAACAGTGGACCAAAGGAGTGCGAAGGGAGCACTAGTACTCATCAC
CAGCATGAACAAGGTGCTTCTTATCCTAAAGAGTGGGATGGCATCAC

>trans_s_3148 AF092432|Lotus japonicus protein phosphatase type 2C (PP2C2) mRNA, complete
cds

CGTTGAGGGGGCGGGCGGGAGGAAGGCGGCCATGGCGGGGGGGGATTCAATTCATTCAATTCATTCTCCTCA
TCACATTCTCCTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTACGATAATAATTCACCCCACTTCACTTTTCTTTTCAT
CCTCTCTCTATTCTCCAATTTTCCACTCCTTTATTCAAATTCACAAACCCATGACTGGAAAAGAGATTCTCC
ACAAGATGAAGGAAAAAGTTGGGCTGTGCTCGTCCGATCCAGACTCGGGAAAAGGAAAAGAGCAAGATGTCC
AAGCATGTCACACATGGCTTTCACCTGGTGGGAAGGGAATCAAATCATGCCATGGAAGATTATTTCTGTTGCAG
AGTTTAAGCAAGTTGATCATCATGAGCTTGGTTTATTTGCAATCTTCGATGGCCATTTGAGCAATTCTATTCTG
ATTATTTACGGTCACACTTATTTTCTAATATAATAAATGAGCCCGATTTCTGGACCGATCCAAAGAATGCTGTTA
GGAAAGCATACGAGCAAACTGATGCTTACATTTTAGAGAAAAGCTGTTGATTTTAGTCATGGAGGTTCAACCGC
TGTCACAGCCATATTGATTGACTGTAAGACACTAGTAGTGGGCAATGTGGGGGACTCCCGTGCCGTTATTTGT
ATTAAGGAAAGGGCAAACAATTATCAATTGATCATGAGCCAAGCGTTGAAAGAAAAAGCATTGAGGACAGA
GGTGGTTTTGTATCGAACTTCCCTGGAGACGTTCCACGTGTTGATGGGCAGTTGGCGGTTGCAAGGGCATTGT
GTGATAGGAGCTTAAAGAAACATTTGAGTTCAGAGCCTTAT

>trans_s_3149 NM_001066158|Oryza sativa Japonica Group Os07g0475800 (Os07g0475800)
mRNA, complete cds

TCGCCGCCCCGCCATCTCTCTCTAACACTCTCGCCTCTCCGACCGTGACCACATCCCAAGGTTTTACATGGGTGTA
TCAATTAAAGATGCTGACTTCTTAAACGAGGATACTGTGGAAGATGATGATCTTAGTAGCGAGGATTCAAGAT
TTGAATCACAATCTGAGTCTGGGTCTGAGTCTGAGGAGGAAGAAGAGGACGTGGAGCTATCTGAACCATCAA
AGAATGCAATATATAATGCTGATGGTCTTCTTGACAAGCTTGGAGATATTAGCTGGCCTGAAAACGTGGAATG
GATACACAAGCTAACTTTTGATATTGATCAAGAAAAAGAGGTGGATGTGAATGATGATCTAGCTAGAGAGCTT
GCATTCTATACACAGGCTTTGCAGGGTACAAGAATGGCCCTTGAGAAGTTTCAATCTTTAGGACTTCCGTTTCT
CAGGCCTTCGGACTATTACGCAGAGATGGTGAAGACAGATACTCACATGCAAAAAGTGAAAGGTGCGCTGTT
ATCCGAACAGAGAAAGAAGGAAGAGATTGAGTCTGTTAAGAAATGGAGGAAGCAGAGGCCAAAAGAATAATT
TTGCTGGAGGTGATAGAGGTGGTGATATGGACTTTTCTTTGAAGATGGAAAGACATTTGAGAGGTGCGGGAG
GTAAGAAGAGGCCGGGGGTGTCTCCTGGCGATCGTTCAGGAGGGAAGGCAAGACATGGAGGTGGAGGAGG
AGGAAAAGGGAAAAATCTGAAGAAGAAGAGAGATTTTAGAGATTCCAAGTTCGGATTCGGCGGCAGGAAAA
GTTTGAAAAAGCAGAACACTGCTGAGACAACCTTATGATATTAGGGGAATTCACAA

>trans_s_3150 XM_002888244|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family
protein, mRNA

TTCTTTTGAACAAGAAAACGAAATTTGTGGCAGAATCAGAATAGTTTCTGATTTTTATCTAAACCCAAATCA
AACCTTTGGAAATGATAAATTCGTTATCGTTGCTTCTACGGCGGACACCTCAATCTTCATTTGCCCTAGCAC
CGATTTCAACTACACTCGGAGGTTGCTTTCGAGGTCTGTCATCGCCCGCTAGCATGGGTCAGGCATTAC
GGAGATTCGGAGGCCAAGACTGGAAGAATAAGCAATTGGAGATGATATCAAATAAAATATTTGATAGGTTTC
ATAAGGAAAAGTTGTCGTTTGAAGATCTGTACATTGCTACGTTACTTGTATTCAATGATATTAATAAGTATCTG
CCCGGACCGCATATTGATCCTCCACGAAGGAGCGTGTCGCAGAACTCGTAGAGAAAAGCGACGAGAACGA
GAACCAAGCAATTGACCGTGATGAATTTTTGAAATTCATAAAGCTCCTGACATTTGAGTCGATCGCATCAGTG
AGCCAGAGATTGATCATCACTTTGGTGGTAGCACCAACCTTGGCAGTAGTCACAAAGAGAAGTACTGAAGGG
ATTCAGGCCCTTGAAAAATGGTTCAAAGGTTCCATCTTCAGCTTATGCTCTTCTCGTCACCCTTGCTGCCCTC
CTGTTCCAAAACCTAATCAGCAGCTTCTAAATGACAATTTTACTCTGTTTCATTCATTCCATATATATAAAGTC
CTTTGTATTTTGCATATATATGTATGTGATTGTGAACCAATAATAACACTCTAGCTTTGAATCAACTATTTGAAC
TCTTGTGTGATTTCAATTCAAAAA

>trans_s_3151 AF334838|Castanea sativa ribosomal protein L17 mRNA, complete cds

ACGTCTTTCAATTTATTGAGAACCCATTCTTTGCTCATTGGAGAAGAGAGAGGGAGAGGGAGTGAGAGAGTG
ATCGAGACGGTCGCCGAAGAGCCCGTCAACAATGTGCAACGAGGTAGGGGAGGTTCCGCTGGGAACAAAT
TTAGGATGTCGCTGGGTCTACCTGTGGCGGTACAGTGAAGTGTGCTGATAATACAGGAGCCAAGAACCTTTA
TATCATTTCCGTGAAGGGGATCAAGGGCCGCTTAACCGTTTGCCATCAGCTTGTGTTGGCGATATGGTCATG
GCGACAGTTAAGAAGGGAAAACCTGACCTCAGGAAGAAGTGCTACCTGCTGTTATTGTTAGGCAGCGCAAG
CCATGGCGCCGAAAGGACGGTGTCTTCATGTACTTCGAAGACAATGCTGGTGTGTCATCGTAAACCCCAAAGGA
GAGATGAAGGGTCTGCTATTACAGGTCCAATTGGAAAGGAATGTGCTGATCTCTGGCCTAGAATTGCAAGT
GCTGCTAATGCTATCGCTTGAGTGTCAAATCAAGTGCATTTGTTTCGTCTTTATCCTTCGATATACTAGGGATT
TAAGATTTAATTTCACTCTCTGGGATTAAATTATTTATCTTGAGGAAAAAAGTATCGTTCAGAGTTTTGGTTG
ATATTGTATGTTAATTATCTCATATTTGATTTAGTAACCCATCCAAATTCCTCCCTCTCAGAATGTCTGCAGGT
AGAAAAGGAAATGATTGGGTTGTGGATATGGATTCTCTGGGAATTAACAAGGTATTTGAAAAGAAAATTTT
CCACATTTAAAAA

>trans_s_3152 GU045560|Solanum tuberosum glucan/water dikinase (GWD3) mRNA, complete cds

AACAATGTGAGAACATATGCTGAAGCTGAAATTCGTGCTAGTGTAAATTTTCAGGTATCGAAGTTATGCACTAT
TCTTCTGAAAGCAGTCAGAAGTTCACCTGGATCACAGGGCTGGGATGTTCTTGCCAGGATCTGTTGAAGGA
ACATTTGTTCAAGTTGAGAGGATTGTCCAGGGTCTCTTCCAACATCCATAGAGGGCCCTGTTATTTCTATGGT
TAATAAAGCTGATGGCGATGAAGAGGTTTGAAGTTAAATATGTATCACTTTCCCTATCGATGGTCCCGTTATTG
TTTTGCACCTCTTCTATGACATTGATGGTAGAATTAGAATGCACCTCCATGAAAGAAAAGAAAATAAAATGA
TGTTAAAGTTGATTATTTGCAGATAACAGCTGCTGGAAGCAACATAACAGGAGTTGTGCTACTACAGGAACTA
CCTCATTTATCTCATCTTGGTGTGAGGGCTCGTCAAGAAAAAGTTGTATTTGTGACGTGTGAAGACGAGGAGA
GAGTTTCTGTTCTGCAGAACTTCTCGGAAAATTTGTGAGGATGGAAGCATCGGCAACTGGCGTTCATATATG
TCCTCCATCAGATTCTAGCCCCAATAATTTCCATTAGCACTGATAAATTTCTGCCAGAACTGCTCCAGATGA
ATATGTGTTTACTTTTGAAGTCCAGTATGGAGGATCCCTCATTACCTCCCGACTCGAAACAGGTTCCATATA
CTGTAGTCAAACCATTTCTCAATGATACTTGGACATATCTTCTTTTAAAGATCTCCAAATTGCCTCACCA
GAATTTTATTTCTCATAGTGTATTTATTTTCTCTGAT

>trans_s_3153 GU984034|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY49) mRNA, complete cds

CTGGCGGAAGTATGGACAGAAATTTGTGAAAGGAAATCCAAATCCTAGGAGTTACTACAGATGCTCAAGTCC
TGATGTCCAGTTAAGAAACATGTAGAGAGGGCGCTCCTGATCCCAAAGTGGTGCTTACCACATATGAGGG

CCAGCATGACCATGTTGTGCCACCTATTAGAACAGTGACGTTGAACTCAGTTGGATCCACAACAGCCCATAGT
GACGAAACAAAACCAAACAGTTAGTACGGTGGTTCATGCTAGTAAGGATCCGCAAAGCGATTCAAGTTCT
GAAGGCAAATTGATTGAAGAGAATGGGAAGTTGAATGCAACAGAAACAAGTGATGACATTATACTCGATGG
GGTGGTGGTAAATCCTAGCCCAGGAGTTGCGAGTGAACAAAATAAGCAGCTGAAAGTAGCAATCGAAAGCTA
GAGGTAGCATGCCCTTCAGGTTCAAATTTGTATCATCAATCAAGACACATTAATAACAGCACCAAATCATGGT
ATAGCTCTAAAGTCAGATTATTAAGTCTGTTGTATAAAATTAATTAAGTGGTAAAATAAAATCAAACGTGTAGG
TTTTCATAGCACTTTAATAAAAGATAGCTTGTTAAAAGTTAGCTAATAGTTACCAAGATGCTAGAGTCCTTGGA
TTTTCTCTCTGGTATGCCATTTTAACCTGATTGATGTAACCTATGCTTTGATATTCAATAGGTTTCCTATACTAC
TGTTTGATCATAATGTTATAATTATAAAATATCAACCAAGAATTTCCAGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAACAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3154 AY103809|Zea mays PCO095316 mRNA sequence

ATCCTTCAAAGCCCTCCAAAATCGGCGTCGGCTCTCAGTCGCCGGAAGTGTATCGATTTTCCTCTGCTACTTCA
GCAGCGAAACGCTAAATCTTATCTCCTTCATCCCCTCGTCGTGGACCATGTTGCAGATAAGAACTCCCAAGAAT
CGGAAAGTTAAGCGGGAGCTCGAGAAACGTGCCCCAACTTGTTGAGACGGGGAAGAAGACGCTAATACT
TCATGGAATAAAACGAGTGGCGTGCTGAATGAAGTACTGACGGAACCTTATCACCTGAAGAAAGAAAGTGC
CGTGAAGTATTCTCGTAAGAATGATGGAATTAACCATTTGAAAGTGGCGGTGACGCGTCTTTAGAATTTTTCT
CTCTCAAACTGACTGTAGTATTATCCTGTATGGTTCTCACTCTAAGAAACGACCCAATAACCTTGTCTAGCA
AGAACCTACAATCAGCATATCTATGACATGGTTGAGGTTGGGATTGAGAATTTCAAGTCAATGCATTCTTCGC
ATACGATAAGAACTAGCTCCACGGGTGGGGTCAAAGCCTTTCATTACTTTCATTGGGGAAGGATTTGAGAAT
GTGGAAGAGCTAAAGCATTTAAAGGAAGTCTTGCTTGATTTATTTGAGGAGAGGTTGTAGAGAATTTAAATC
TTTCAGGATTGGACCGTGACATGTATGTACAGCCATCTCACCAAATAAAGTATTTCTCACTCATTGTGCATTCC
GATTGAAGAAATCGGGTTCAGTAGTTCCAAGAATGGAAGTGAAGTTGGTCCTTCAATGGATATGGTGTAT
TCGCCGCCACCGACTTCTACTGATGGGCTAAAGAAAAAGGGCA

>trans_s_3155 AY042881|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F2103.2) mRNA, complete cds

AGATGTGTTTATAATGGAAGACTAGAAATTTGCCATGCAAAGACTGGGAAGTGGAGTCCATTTACGAGTTAG
AGGTTCTTGAGATGATTAAAGAACACATAACCACAGTGATTGGTTTGAGAGCAGATTCGAGTGTCACGGACA
ACTGGGCTATGACTAACATTAGACAAGCACACCTTGGTCGTGTTTATGTGGCTCCATCTTATATGGCTACTTC
TTGAAATCTGCTATATTGAGGCATCACTTGGAGCAAACTAGCCATACCTAACAAACACCGTAACGGTGGTC
ATCCAAAACTTTCTCCAGTTCCTGAGATGTGTCTTTATGGATTTAGAAATCTTCTCTCTGGTCGTCTTAGTA
ACATGCTATCAGTGCTCACCAACAGTGTGTAACAGCGACAGGAGACGGAGCCAGAGAAGTTAAAGCGTT
TCTTGACGGGATTTGATTCCGAGGCATTGCAGAGATGTGCAAAGCTAAAATCTAAGGAAGCCTGAATCTGAT
TGAGAACCATAGTTACGCATTATTGGGAAATGAGGAAGTCGGCTTTTTCGAGAACAATGAGGTGCTAGTGAC
TTCTTTTCAAGCTTGAAGGGATTGGTATTAGAGGCTGTTGCTTTGGCTCTTTCCTTTGGGATGCAGAGGAGT
ATGTGGACACCATTTATAAGCTTAAGGAGAACTAATCCAGTAAGGTATTTTCGTAGATATAATAACGCTTCTC
TGTATATAGGATGAGTTGAAGACGCATTTTCAGGAAAGTTCACCATCTGTATATAATATCTATATATAATT
TCCTATGAAGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3156 XM_002873488|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TGGCACCAGAAGTTCTAAAGAATGAACCAGCCAATGAAAAGTGTGATGTGTATAGTTTTGGTGTAATATTGTG
GGAGTTGACGACATGTCGCATACCGTGAAAGGTTTGAACCAATGCAGGTCGTAGGAGCTGTTGGATTCCA
GAATAGGCGCCTGAAATTCACAAGATGTTGATCCAGCAGTTGCACAGATCATTTGCGATTGTTGGCAAACG
GACTCACAATTGAGGCCGTCGTTTTCTCAGCTTATTAGTCGATTGCGGCGCCTGCAACGGCTTGTTTCAGAAAAC

>trans_s_3157 EF051306|Gymnadenia conopsea 40S ribosomal protein-like mRNA, complete sequence

>trans_s_3158 BT006550|Arabidopsis thaliana At5g19590 gene, complete cds

>trans_s_3159 XM_002880169|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata diacylglycerol kinase family protein, mRNA

GAATCTTGAAAAAACCCATGAAATTTTGAATCTTTTCATTAAGCAACTGCGTTATTGTCGATATGAAGCTTTGA
TAATCATCTCCTTAATGTCATTGCCATGTCCTTTCCGATAATTATTACTATTTTCCCAAATCATAGTCTATAA
TTTCTAATCTATCGGACAAGGAAGTTTCAGCGATTAAGAAGATGGTTGTTGTTTCCCTTGCTATCACTTAGC
ATTGGGATCTTCCATGGCGACAAAACCTTTATCACCATGGCCGAACAGCCCACTGCGCCCGATCTCTATGTGCG

ATCGGTCAACTTTTCATCGTGAGTCGTCTTCTTTCTCTTCTCTTCTGGCCGTCGCGATCTTGTTTTGTTGTTAA
TCCCCGCGGTGCAAATGGTAAGACCGCGAAGGAATGGAAGAAGCTCGTTCCTTATCTACGCACTCGGCTTGGT
GAACATTATAATATATGTGAATCTCTGACGTCAGGTCCTTGCCGTGCCATTGATATAACGAGGGAGGCAATTC
GGGAAGGTGCTGATGCTGTGATTGCTGTAGGAGGAGATGGAACTTTCATGAGGTGGTCAATGGCTTCTTTT
GGGCTGGAAAGCCTATTGTTAATAATGATGGAGAAGCTCGTAAATCAACAGCACTTGGTATTATTCCATTGGG
GACAGGTTGAGATTTTGCAAGAACATTTGGTTGGAATAACAATCCTTTTGAAGCTGCGGACCGTATAGCCAAA
GGGTTGAGGACCCGAATTGATGTTGGAGTTGTCAATGAAGATAATGGGGGAGAATCATTACTTTGCAAATGT
TGCAGACATTCATTTGAATGCAAAGGCTGGTTTTTATGCT

>trans_s_3160 NM_001037080|Arabidopsis thaliana Expressed protein (AT5G66005) mRNA,
complete cds

GTGGGAATCCAAAAGGAACTCTGAAATGGGAGGGCCAGGGCGGTGCCTGCTGGTTACGGGTCTCCGGGT
GTGGGCAAAACCACTCTGATCGTTAAGGTTTTTGAGATGCTTAAAGCCTCTAGCCCTAACTGAAGATCAAAG
GCTTCTATACAGAGAAATCAGGCAAGGAAGCCAGCGTGTTGGTTTTGAAGTTGTTACATTAGATGGCCGGAC
AGCTCCCCCTTGCTCCACCTCTGTGTCCAGGTGTTACCTCTCTATCTCTCTCATCCTCTAACTTCCGTTGGTTCC
TAGGCTCCTCGATACTTGATTTGAATGCTTCATTTTATTTCAATTCTGTGGTTCTTTGAGAGTTTTGTTTAC
GACAATGCAGCAATTTATTGGTCATTTGCTTAATTTATAATGCAATCACTTCTAATTCTCTTTGCTCCATTTCTCA
TCTGAACTGTAATGCTACGGGAATTCACCTCGAAGTTCAGCATGATATTGATATTGCAGTTGCGCAGCTAGAAC
GATGTAGTTTTTGTATGTTGCAGTTGTTTTCAATTATGACGACTTACAAGCTTCATCGATGTAATGTAAGTACT
CTGATTTTACTGTTTAAATAAACTTACAATGTTTTCTTCACTATGCATGCATTTACCTTTCTCTGTCCTAACAAATGT
ATGTGTATTCATTTTCTTTTTCAATGTAAGAGTGTTGCAATCGCACGAACTTGCTGAACTAGAACAGTTCTAT
ATAGGCTGTACAACTATCTCCTTGAGTTTTAAAGAGTGGTTGCATTGATCTGTGTTAGCTTGAATTTATCGGTTT
GGCCATGAGACTGGAAATGGCATGTATATGG

>trans_s_3161 NM_113479|Arabidopsis thaliana PP2AA2 (PROTEIN PHOSPHATASE 2A SUBUNIT
A2); protein phosphatase type 2A regulator (PP2AA2) mRNA, complete cds

GGTTTGCAACCATATAACGCACACGCCAAGACTTATCNTGAGAGAAGTTTACGATAACTGGAAGGATATGCA
AAACACAATCTTGAGGTTCCAATAACTTGCCCAAAGCAGCACAAACCCTCAACAGCCAGCAATCTTACAGAATCT
TGATCATCTTGTGTAAGATCCTCAAATATTGTCATAATATCTGTTTTTCAAGATGAGCAGGTTTCGTTGTGCGCAGC
AAATTTTCTAGGTTTGTGTCAGCAGACCTCCTAACCATGGGCATGTCATCTTGACACAATTGGCCATATATTG
ACCGCAACTCAGTCTTCAACATTTCTGGAGCACTGGGGTAGGCAATATGAAATAGCCACATGCAGATAGTCT
AGCTGTAAACCATTCACCAAGCTGCCAATCTCTTAACGAGAGGAATGAACCAATCACTAAATCACTCTCTCTCA
TCTGAGATCCAATTCTGCACAATGACTCCACAGCTTGTCTCTCACGCATGTCTCCTCAACGGTGCACAGAGTTT
CTAGAGGTGGAAGCAAAACATGGGCATGCTCAACTCCACCAACATAAGGGATGAACACTCCCAACTCCTCAGC
CATTGCAAGAAGTACTTCATCATCGTCATCATTGTTTTCACTCAGAAATGGGATCAACTCTTTACGGGTTTCGCTC
CTCTCCAAGAGCACGTGCAATTGTGGAAAGTCTCCGAATGGAGTTCAACCGTAGCTGAATGTCGTCATTCTTC
AGCTCGTCAATAAGAACAGCTATTGGATAAAGCGGCTCGTCAACCATAGACATCTTATTAGCGCTTACCTAG
ATCAATGCCCTTGGCTGGTCGAGTTTCAGGAACCTGTCGT

>trans_s_3162 DQ838492|Gossypium hirsutum vacuolar H⁺-ATPase subunit C (DET3) mRNA,
complete cds

AGAGAGAACTCTTTGATCTTCGTCTTCTTCTTCTCATCTCTCTCGTTTTTCAAGTTGATACTTCCCTCAACAGCTT
GTAAGCAAAGCTGTAATGGCGAGCCGATACTGGATGGTCTCTTTACCTGTTCAAGGCTCCGCTTCTTCTCTATG
GAATCGTCTCCAAGAACAAATCTCTAAGCACTCTTCGATACTCCTCTTTACAGATTCAATATTCTAATCTCCG

TGTTGGAACGCTGGATTGCTTCTTTCCCTCAGCGATGATCTTCTAAAGTCGAATACCTTTGTGGAAGGAGTTT
CTCAGAAGATCAGACGGCAGATCGAGGAAGTGGAGAAGGTTTCAGGTGTGGAGAGCAATGTTTTGACGGTT
GATGGAGTCCCCGTTGATTCGTATCTTACTAGGTTTGTGTGGGATGAAGCCAAGTACCCAACAATGTCGCCTC
TGAGAGACATTGTAGATAGCATTACAGCCAAGTGGCCAAGATTGAGGATGACCTCAAGATTCGTGTTGCTG
AGTATAATAATGTGCGGAGTCAACTTAATGCCATTAACAGAAAGCAAAGTGGAAGCTTGGCAGTCCGTGATA
TTTCCAATCTTGTAACACAGATGATATAATTACCTCAGAGCATCTAGCAACCCTTCTCGTGATTGTTCCCAAGT
ACTCTCAGAAAGAGTGGCTCTCTAGCTATGAGACACTGACTAGCTATGTGGTCCCAGGTCTTCCAAGAAGTT
ATACGAGGATAATGAATATGCCCTTACACTGTAACACTCTTAATCGCGTTGCAGACAATTTCAAACAAGTG
CACGTGAAAAAGGGTTCAGATTCGCGAATTTAGATATAGT

>trans_s_3163 AJ310910|Solanum tuberosum mRNA for UDP-Glucose:protein transglucosylase
(uptg2 gene)

AAGCTCAAACCTTCAAACCCACAATTCATTTATCTCTCTCCACTTCAAATGGCGGATTCAAAGTTTCCCC
AGTTCCCTGTTGAAAGATGAGCTCGATATCGTCATACCCACCATCCGAAACCTCGATTTTCTGGAGATGTGGA
GACCTTTTTCCAGCCTTACCATCTCATCATTGTTGAGGACGGTGACCTTCTAAGGTCATTAAGGTTCTGAG
GGTTTTGATTATGAACTCTACAATCGTAACGACATCAATCGGATTCTGGGTCTAAAGCTTCTTGCAATTCCTC
AAGAATTCTGCTTGTGCTTGGTTATATGGTCTCCAAGAAGAAGTATATCTACACCATGATGATGACTG
CTTTGTTGCTAAGGATCCATCAGGCAAGGACATTAATGCGCTTGAGCAGCACATCAAGAACCTTTTGAGCCCG
GCTACACCACACTTCTTAATACCTTGTATGATCCATATCGCGAGGGTGCTGACTTCGTCCGTGGATATCCATT
AGTCTCCGAGAGGGTGTCCCGACCGCAGTGTCTCATGGCTGTGGCTCAACATCCCTGATTATGATGCTCCCA
CCCAGCTCGTGAAGCCTCTGGAGAGAAATAAAAGGTATGTAGATGCGGTCTTGACAATCCCAAGTCAACCCT
CTTCCCATGTGTGGAATGAATCTGGCATTGACCGTGATCTGATCGGCCAGCAATGTATTTGGTCTCATGG
GTGATGGTCAGCAATTGGTCGCTACGACGATATGTGGGCTGGCTGGTGCATGAAGGTTATATGTGACCATCT
TGGATATGGAGTGAAGACGGGATTGCCCTACATTTGG

>trans_s_3164 NM_101188|Arabidopsis thaliana DIS1 (DISTORTED TRICHOMES 1); ATP binding /
actin binding / protein binding / structural constituent of cytoskeleton (DIS1) mRNA, complete cds

TGACTCTCTTTGTCCAACAGCTCATAAAGGAAAGAGGAGAAAATGTACCACCTGAGGACTCTTTGAAGTGGC
CCGAAAAGTGAAGGAAATGTATTGCTATACCTGTTCTGACATTGTCAAGGAGTTCAATAAGCATGATAAGGAG
CCAGGCAAGTATCTGAAGCACTGGAAGGGTATTAACCCAAGACTGGCGCACCATATTCTTGATATTGGCT
ATGAGCGATTTCTTGCCCGGAGGTGTTCTTCAATCCTGAAATTTATAGCAGCGAGTTTACCACCCCTTGCCT
GCTGTAATAGACAGGTGTATTCAATCTGCTCCAATTGATACCAGAAGAGCGTTGTACAAGAATATAGTACTAT
CTGGAGGTTCAACAATGTTCAAGGACTTCATAGGAGGTTACAAAGAGACTTGAAGAAAATCGTGGACGCTC
GAATCCTTGCCTCTGAAGCTAGATTAGGAGGAGAAATAAAGTCGCATCCAGTGGAAGTCAATGTTGTAAGCC
ATCCCATCCAGAGATTTGCCGTCTGGTTTGGAGGCTCCGTTCTTGCATCAACTCCCGAGTTTTTGGCGTTGTC
ATACAAAAGCGGAATATGAGGAGTACGGTGCAAGCATATGCCGCACGAATCCTGTTTTCAAAGGAATGTACT
GATGCAAAGATCCTTGAGCTTTTTGACCTTTGGGTGGGTAGTATAGTCCCTGACTTGTTGGATCAGATGCTT
TGCCGTTTCCCCTTGAGCGTGACCTCGGTTGATTGCTATTCTTGCAGCCTTTGGTAGAGGAGAGGGGTGTA
CATGGGTGATGTAAATATGATCATTTTGTGTAAATTTGTACGAA

>trans_s_3165 AF239218|Spinacia oleracea plastid-specific ribosomal protein 3 precursor (Psrp-3)
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CTTCTCGAATTTCTCTATCTCTTAACACACTCTCTATGATGTTATCCATGGCAGTTCAACTTCAGCCCAATGTT
CATTTCTGTTTCAATACCTCCAATTTCACTGCCCAACCCGCTTCAAACCATTTCCAATTCCTTTTGTGTGAAGC

AAAGAACCACCGCTTCTTCTGCATTCCCAACTTTTCATTCTGTTTTGGCTTGAAATTGAGGCGCCAGAAGCTTAC
GAACTCAAGAAATCTCTGCTTCTGCTGTGTCCACTGAAGCTGTTGAAGCTGCTTCAGAATCGCTTGTTACTGAT
GATTCCGATTCCGCTCTCCTCTCCTGTTAAGGAGAACTGGGAGTGGTTGTAAAACCGATGGAAAAGCCAAGGC
TTGTGCTAAAGTTCATATGGATGGAGAAGAACATTGGTATTGCACTTGATCAAATGATTCCTGGTCATGGAAC
TATTCCTCTTAGCCCGTACTACTTCTGGCCTCGGAAAGATGCATGGGAAGAGCTCAAAGTCTTACTTGAGAGC
AAGCCCTGGATTTCTCAAAAGCAGATGATTATCCTCCTTAATCAGGCAACTGACATCATCAATTTGTGGCAGCA
GGGTGGAGGCAACCTGGCTTAAGCTCCAATGTAAAAAGTTCCAAAATTTTTGATAGTAGTCTTAGATTGTGA
CTATTCTTGAATCGTACGGCTATTCAGATGTCCTTTTTCGTATATTCTGAAGTAATTTATAATTTTAAATGACT
CATCTTTTGTGTATATTATGTTGGTTGTGTAACCATCTACAGTTCACCTGAAAGTTTTGTTCATAGTGAATGT
GAAAACCTGTTATTTTATAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3166 AY109778|Zea mays CL3683_1 mRNA sequence

ATCCTCCATCCATCCATCTTCTTTCTTCCGTTACGGAGAGATATCGAGAAAGCTCCATTGAAATGGAAGAGAGT
AGCAGAGCCACCGTAATCCGCCAGCTGCACAACGCGAAGTGCTCATCGGGAAAATCTTACAACCAGATAGCA
CAAGAGACTGGCCTCACTAACGTCTATGTCGCTCAACTTCTCCGCCGGCAAGCCCAGCTTAAGCCTGATACTGT
CCCTAAGTTGAGGTCCGCTTGCCCTCAACTCACCGATGATCATATTCAACAGATGATGCGGCCGCCAATGAGG
TCTTACGATCCTTGTGTTGATTCAAGAACCCACAGTTTACAGATTAAACGAAGCAGTTATGCATTTTGGCGAGAG
TATTAAGGAAATTATTAATGAGGAGTTTGGCGATGGAATCATGTCAGCCATAGACTTCTACTGCTCAGTTGAC
AAGGTCCAGGTGTTGATGGGAAGGATCGTGTCGTGATTACATTCGATGGTAAATATTTGCCCTACACTGAGC
AGAAGGTAGAGCACATGGCTTCCAAACAACCGATGCAGGAAAGCTGAACAAGATTCTAAAGCTGGAATCTGT
ATTGTAATTGCTTTACATCGTTCATCTGAAAATCTTGTATGATTAAATGTGAAGCTGCATGTTTATAGATATGAA
AGCCGTGCGTCCATGTTCTTTGGCTTCTAAGTGTTTGTATGTGATCGAGTCATGACCAAGTTTGGCCCAAGTA
ATTTTCAGGGCTGCTTGTGGTCGGTGAATAACATGTCTTTCAGCATCTTATTTACGTTGTTAGCTCCATAAATT
GATTGTTTATCAGGACATAAGACATGCAATTGTCTCTTCTA

>trans_s_3167 AY942800|Cucumis sativus cyclophilin (M2) mRNA, complete cds

ATATCGGTCTTCTTCTACGATAAGAGATTTTCGGAACCTCAGAGAAACAATCCAAAAATGCCAAACCCTAAAGTTT
TCTTCGACATGTCTATCGGCGGCGCACCGGCCGGCCGGATCGTGATGGAGCTCTACGCCGATGTCACTCCTCG
CACCGCCGAGAACTTTCTGTGCACTCTGCACTGGTGAGAAGGGAGTCGGCAGAAGCGGCAAAACCCCTTCATTA
CAAAGGATCGTCATTCCACCGTGTGATCCCTAATTTTCATGTGCCAGGGAGGCGATTTACCGCCGGAAATGGT
ACTGGAGGTGAGTCAATCTACGGAGCCAAGTTCGCCGATGAGAACTTCATCAAGAAGCACACCGGACCTGGT
ATTCTATCCATGGCGAATGCTGGACCTGGAACCAACGGATCTCAGTTCTTCATTTGCACCGCTAAGACCGATTG
GCTCGATGGGAAGCACGTTGTGTTCCGGTCAAGTCGTTGAAGGTATGGATGTGGTAAAAGCCGTTGAGAACTG
TTGTTCAAGCTCTGGAAGGACCTCGAAACCGGTTGTCATTGCTGATTGTGGCCAGCTCTCTTAGATTAGCAGAT
GCTAGCTCCATCGCCGTCGTCTGCTCCGGCGAAATCGTATCTATGATCAATTTCTATTGCGTGTGTTGTTTTT
AACTTCTGCGAATATGGGTCTGTGTGAGTCTCTTTTTTATAGGCTATTATGGGTCATGGGTTTATGCTACTTCATG
AGTTAATATGCATCTGCCCTGTTAAATGGCGTTTTGCAATGGATTATTAATAATACATGGCTGTCTTTAACTCA
AAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3168 AY079118|Arabidopsis thaliana AT3g10250/F14P13_15 mRNA, complete cds

ACACAACTCCAAATCAAAATCCCTTCTCCATTTTCCCTCAATTTCTTCTCTCAATCAAAACCTTCCCTCCAATT
TCTTCTCTCCTTCTTCAATCCGATTCAGCGCAATGCTCTTTCATCTGAAAGTTATATGGTTTCGTCAATCAACTT
GTATTTGGTGCAATTGAACTGCTTTCCTTAGTCCCATACCATCGCCGGTAATTTGCATTCAGATCCTGTAGTGGA
GGAACAGTGCTGGATAGTCTTTAAGAATGTCAAGTGGATCGATGAGAAGAGTCTCACGTCAAGATATTCAGTT

GGTGCAAAATCTTATTGAACGATGCCTTCAGCTATACATGAACCAAAAGGAAGTTGTGGAGACACTGCTGAAT
CAAGCTAAAATTGAGCCTGGATTTACAGAACTTGTTTGGCAAAAACCTGAAGAAGAGAATCGTGAATTCCTCA
GGGAGTATTATCTGAGATTAATGGTGAAGCGTCAGATAGTTGAATTC AACAGGTTGCTTGAGCAACAAGTTCG
GATGATGCAAATACAGGAACTGGAGCCACTCCATTACCTACTTCGAATGGATCGCTGGTCCAACAAATGCAC
CAGAATCCAACATATTCACTATCTTCACTAAAGCAGAATAACGTGCAGCATCCTTTTGGTAACAGCATGCCTAA
CAATGCATATCTCAACGGTGCTGTGTCATTGCATTCAAGAATGCATCCAACAGTTGACATGTCTGCGCATCCAA
GTAGGATTGAAGCACCACCGTCTATACTACCAACCCAAAGCTCAAACATAGGGGTTGAATGGGAGGACAATA
AAATCTGAAGCTGGATATTCAGGCAATTCCTCTTATAT

>trans_s_3169 NM_100616|Arabidopsis thaliana SMO2-1 (STEROL 4-ALPHA-METHYL-OXIDASE 2-1);
4-alpha-methyl-delta7-sterol-4alpha-methyl oxidase/ C-4 methylsterol oxidase (SMO2-1) mRNA,
complete cds

TGCTCAACCATGAACGGAGAGAGATTTTTGAGAGAGTGAGAGCGATCCACCTGGAAATTGAAGAAAAAGGC
AAGTTTAGAGAGATTATAATAAATCGTAAACCATAAACCCATAGATTCTTTGTTCTTCTCTCCCTCTCTTACCT
GTATTGTCTCCTTCTCCATTCTTCTCCATTTTTCTCCCATCATTCATGGCTGCGCTTCTGAATCTGCCTGGCAGT
ATCTAACCAAAATTTCAGTGATTTTCAACTCGCTTGATTGGAAGCTTCATCATCCATGAAAGTGTTCCTCT
TATCTGGACTTCCCTTTATACTTTTGAAAGAGCAGGATGGCTGAGCAAGTACAAGATCCAGGCTAAGAATAA
CAGTCCTGCTGCTCAAGGAAAATGTATTTACGCCTACTACTCTATCATTTTTGGTGTTAACCTTCCAGTTATGCT
TGTTTCTTATCCTGTCTTCAAGCGTATGGGCATGAGAAGCACCCTTCCATTGCCATCCTGGAAAGTAGTTTTCG
GCCAGATAATATTCTACTTTATTATTGAGGACTTTGTTTTCTACTGGGGGCATAGAATTCGCACACCAAATGG
CTGTACAAGAATGTCCACAGCGTCCATCACGAATATGCTACACCTTTCGACTAACATCTGAATACGCTCATCC
GGCTGAGATCCTGTTCTTGGATTGCTACCATCGTCGGTCCTGCTCTTACTGGTCCCCATCTATTTACCCTGTG
GTTATGGATGGTGGTTAGAGTGCTGGAGACAGTTGAGGCTCATTGTGGTTACCATTTTCTTGGAGCCCTTCA
ACTTCATACCTTTGTATGGGGGTGCTTATTTTC

>trans_s_3170 AB204874|Phaseolus vulgaris Pvphot2 mRNA for phototropin, complete cds

ACACGTTTGTTTGATAACAGACTTCTGCCCTGGTGGGGAGTTATTTGCATTGCTTGATAAGCAACCAATGAAAA
TGTTTAAAGAGGATTCTGCAAGGTTCTATGCGGCAGAGGTTGTCGTTGGCTTGAATATCTTCACTGTCTAGG
AATCATTTACCGGGATCTGAAGCCTGAAAATATTCTTCTCCAGAAAGATGGCCACGTTACCCTTGCTGACTTTG
ATTTATCACTTGTGACATCCTGCAAACCGCAGATTGTGAAGTACCCATTGCCTCAAGGTAGAAGGAGATCTCG
AAGTCAACCACCACCAGTATTTGTTGCAGAGCCGATCACACAATCTAATTCTTTTGTGGAAGTGAAGAGTATA
TTGCTCCTGAAATTATAACACGGGAAGGCCACAGCAGCTCTATCGATTGGTGGCCTCTTGGTATATTGTTGTAT
GAGATGCTTTATGGTCGCACACCTTTCAGGGGAAAGAACAGGCAGAAAGACTTTTGGTAACATCTTGACAAAA
GATCTCACCTTCCCAAGTAGCATTAGGTAAGTCTTGACGAAGGCAGTTGATCAATGCATTGCTACAGAGAG
ACCCTGCCAGACGTTTAGGATCAAGTACAGGTGCAAATGAAATCAAACAGCACCCCTTTTCCAATCAATTAAC
TGGCCACTGATCCGGTGTATGGTCCCGCCACCATTAGAATCACCTCTTCACTTACTGGAAAAGATGGAACAA
CCAAGTCTGTAAACTGGGAAGATGATGGTGTGCTTACTCAATGGATGTGGATTTTTTCTGAAGGTTCTCACCA
GAATAACTCAAACATGCATTGACGTGGTTTAGTTTTACCTGT

>trans_s_3171 DQ306772|Hevea brasiliensis isolate SSH43 mRNA sequence

TTATATTCACTTGACATACACAGTATTTGGGACGTCGGGTCGATTGGAATATGAACATCAGGTGAGCGATTTT
AAATTTGTGTACTAGAAAGACATCTCCACTGCCGGGTGTGTTGACCTTTTCAAGAAGCATTAGCAACCCAACA
CCACTTGACAACCCAAACAAGTACTTGCTTCGACGGGCTTTTCTTTTCCAGAAAACAAAGGATACGATCCACTT
AAAAACTGCCATGAGAGAAAAGCTTCCCAACCGGATGGCTTCTTACGACTACTTGTCTTTCAGGTGACATCC

CCTTGTATAGATGTTGAGCTATTTCTTTCTTTCAGTAATACCAGCTGGGCCTTATCGGTTTCGCATTGAAATAATTGCTT
GCCTCATTGATTCTCTGTCAGCTTCAAGTGCCTGAAGCCTCAAATAAAGTTTCTTGACTTCAGGATCTCCCAAAT
CAACTTGATTCAAGGACCCTCTGGGAGTTGTTAGATAGTCCTCATAAACGCCAACCGCTGGTTTGGACTCGTG
AAAACCATTATATGTTGCTCCATTGTGAATAGAGTCGATGGTATAAACTCTATCACTCATGTCATCTCCAATTCT
TGATGCATTATCCATTTTTCTCAAATTAGAATAGTCCTCAGTCTGAGAAACATATTCTTCTTGAAGCTTGATGT
GTATCTTGGAGATTCGTTCACTTGGGGCATAACAAGTGAAGAACTTGAATCATTGGAAAACCTTACTGGAATGT
CTTGGCCTCCTAGGAGATTGCCCCACAATCACCTTCTCTAAAACGTTCTTTGTACCCAAGTAGTCTGCATCCAGC
TGATTGTAGCTAGAACTTCTCTCCAATTGGCTGA

>trans_s_3172 NM_179023|Arabidopsis thaliana CNX7; catalytic (CNX7) mRNA, complete cds

ACATCTTCGCCTAATCGCTATCACATCCTTTCTTCTTTCACTCTCATCTCATCTGAACCCTAGCTTCGATCTTCCTC
GTCGACGAGGGCTTTTGGACCAACACTTCTTCTTACCCGCCTTTCTTGTGTTGAGCTCTCTACTGGCCGCAAA
ATTTAGGACATGAAAGCCATGAAAGAACAGGAAGATGGATTTGGATCTGCAGATAGGTATGGTGAGGATAA
AGTAGAGCAACTGGTTCAAATCAAGACCTTGTTTTTGTAGAGCTCGAGATCTGACAGGTACGAATGATGTT
TTATTGGAGATCCCTTTAGGTAGTACTACAAAGGATTGTCTGGACAAGATTGTAGGCCAAATTTCCAAGGCTAG
AGGAGATCCTTGGATGTGTGGTTCTGGCTCTGAATGAGGATTATACAACCTGAGTCAACAGTTGTTAAAGATGG
AGATGAGTTGGCAATTATCCCTCCCATAAGTGGTGGCTGACCTTTCTTCTGCTACTATTTTATACTGATATGTAT
ATATATATATACATATATTTGGTGCCATTTCAAATGTGGACTTCGTAAACCAATAGGAACATTGAGCTCCTTCC
CCAATGTGTAGAAAATTAACTTGCTCTCCTACCTTTCTAATGTCTTAGTAAAGCTTTGCTTGTTTCATCCATG
GCTATGGAATTTTCAGCCACAGGCCTCTGTCAAAGTATTCCTACACTCGCTCTCCGCTCCTTTTTCCATTGCGC
AAGGCTCGAGTTCAAAGCTGTGTAGCCATTGAGTTTGCTGCTGAATCGGGAATCCTCTGCAAGGAGGAAGAT
AAGGATTGTATTTCAATTTACATTGCCTAGAAAAGAA

>trans_s_3173 NM_001185708|Oryza sativa Japonica Group Os01g0834601 (Os01g0834601)
mRNA, complete cds

ATATATTATCAAGTTTTCGTTGTTGGCAGTCCTTTCTTGAAGACTAGGGTTTTGGTGCAGCTCCTCCCTCTCAAC
TTTCGAAGCCCTCGCCGAAACCGTTCTCTCTGCAAACATGGGGAAAAACAAGAGGTATGGGAGCTGGGCGCAA
GCTGAAGTCCCACCGTAGAAGGCAAAGGTGGGCTGACAAAGCTTACAAGAAATCTCACCTTGGCAATGAATG
GAAGAAGCCATTTGCCGTTTCTTCTCATGCCAAAGGCATCGTCTTGGAAAAGATAGGTATTGAGGCTAAGCAG
CCAAATTCTGCCATTAGAAAAGTGTGCCAGGGTTCAACTCATCAAAAATGGAAAGAAGATTGCCGCATTCGTGC
CCAATGATGGTTGCTTGAACCTACATTGAAGAAAATGACGAAGTGTGATTGCCGGATTTGGTCGTAAAGGACA
TGCCGTCGGAGATATTCCTGGTGTTCGATTCAAGGTTGTGAAGGTGTCAGGTGTGTCTCTCCTCGCTCTTTTCA
AGGAGAAGAAGGAGAAGCCAAGGTCTTAAGTTTGCTTGGCAGAGTTCATCATCTTCTTACAGTTTTCTATCGA
TAATTTTAGAGTATTTTGAAGTTCTTGATTATTGGGTTGTTTTGGACTATATGTAGTTATTGCCTCCCTCCTCGCT
GTCTTATTTTTGAAATCGTTTGATCGAGTTCCTTCCATTTTGATCTGAAAACCTTTGTCTTGTTTATTAAGAGATAT
CAACAACCATGTTTTTGAACGAGTTCCTTCATAGTACTGTCATTCCAGGCTAGAAGTACTCTTTTAAGAAGTTA
TAATTTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3174 NM_001048612|Oryza sativa Japonica Group Os01g0158400 (Os01g0158400)
mRNA, complete cds

ATTGACTTTAAAATTACGAAATGGGATCGGGGTGGTCGGAAGAGCAGGCTGCGCAGCCGCAGCCGCAGCAG
CAGCCAGCCGCTGCCAATGCCGCTGTAAGAAGCAACGAGCACAGCAGTGGCAACTCGAGTGATAATAATTTG
AAGGAAGAAAAAGAGAAGGTGGTGAAAGGGAAATTAGAAGAAGAAATGAAGTTGGGTCATGGCTTTGAAG
ATATTTTGAAATATGCAGACTTGCCAGTGGATAGATCCTCCCTGGAAAAGCTTCATGAACAACTCTATGTTGGT

ATCTTCTTGAACAAACGAACTAAGAAATATTGGTTAGATAAGAAGTTGAAGAGTAACTGTTTCATGCTATTTCC
AAGAGCTCTCTCAATAACTTGGGCTGAAGAGAATAAGTATTGGAGATGGAGACCCTTGCAAGACTCCAGTAA
TACGATTGAAGTCGTGGAGCTTATGAATGTATGCTGGCTCGAAATCCATGGGAAGATGAAGACATGTGAGCT
CTCACCCGGAATTTGTTATGAAGCAGCATTGAAGTAATGATAAAAGACCCAGCCTATGGATGGGATATTCCG
GTCAACATTTCGAGTTAAAAAGCCAGATGGGAGCAAGCAAGAGCATCAAGAAAATTTAGAGCAGAGGCCTCG
AGGGAGGTGGTTCGAGATTCCAATAGGCAATTTATTGTTTCGTGATCATGAGAGGGGAGGGGAGATTGAGTT
CTGCATGTTTGAATATGAAGGAGGGATGTGGAAGAAAGGGATGGTCCTAAAAGGTGTTGTGATTTCGATCAAA
GGGGTAAATATGGATTGCACTATAAGCTTTATGTTGCACACAACTCTAAACTAT

>trans_s_3175 NM_001084699|Arabidopsis thaliana ECT6 (evolutionarily conserved C-terminal region 6) (ECT6) mRNA, complete cds

AAGCAAAGTGGAACTTGGTAGCATTCTGCTGGTGGTCATGCGATCAGTTTCATCACGTGTTTTTCAGGGT
AGGGGTGCTTATGGGTCAATTCAACCAGTAGATGACATATCAAATGGAAAGGTTGTTTCTCAACATAGTCAAT
TGAGAGGACCTCATCCTATCAATAATGCCTTTTCTGACTTTTCGACCAAGTGCTCATGGACAGGCTGCGATTCTT
AAATTTTCAGCCTAAGGTTCAAGTTGGTAGAGTTCTGGATAGTGCAAATGCTAGTTCAGATGCATTAAGTGAGC
AGAATCGAGGACCTAGAATCAGCAGATCTAAAGCCCACTGGCTCTGAAAGCCTACACAACCAAGGCTGGAG
ATGGTAATGCAGATGGAAACATTATTATCTACACAGATCAGTATAATAAGGATGATTTTCTATTGAATACACG
GATGCAAAATTTTTTGTAAATAAAATCTTACAGTGAGGATGATGTCCACAAGAGCATTAAGTATAATATTTGGTC
ATCTACTCCCAATGGGAATAAGAACTTAATATTGCATATGAAGATGCTCGGAGAATAGTTTCAGCAAAATCA
AGAAGCTGTCCTGTATTCCCTTTCTTCTCTGTCAATGCAAGTGGTCAGTTCTGTGGTGTAGCAGAGATGGTTGG
CCCTGTGGACTTCAACAGGGATATGGATTTTTGGCAGCAGGATAAATGGAATGGAAGTTCCCTGTAAAGTG
CACATAATCAAAGACGTTCCGAACAACAACCTTTAGGCATGTCATTTTGGAAAATAATGAAAATAAACCTGTTAC
TAATAGCAGAGATACCCAAGAGATACCGCTCAAAAAAGGTCT

>trans_s_3176 NM_127456|Arabidopsis thaliana TXND9 (THIOREDOXIN DOMAIN-CONTAINING PROTEIN 9 HOMOLOG) (TXND9) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTCTTTGAAAAAATGCAGTAATCTCAGTTAACGCTTCACGCGATCTCACCTTTTTGTTGCTCCT
CCGTCCCTTCTCCACCTGCCGTCTGTCTCCCTTTCACCTCGCCGTCGCCGTCGCCGTCGCCGTCGCCATCTCC
CTCAGCTCGCCATTACGAGATTCCATCTCAGATTGTCAGCTCTTCTCACACCATCTTCACACCTTAGTTTTTGGTC
TACCTCCTTAGAGGTTGATTTTGCTTCGAAGCTCTCGAAACCTGTTGGAATATTTTCCAGCGAATTGTCTCCGA
TCTTCCACCTCTACAGAATGGAGAATTCAAAAATTCAAGAGATTTTGGAGAAGCAGGTCCTGACGGTGGCGA
AGGCTGTGGAGGATAAGATTGACGACGAAATCAAGCGCTTGATCGTCTTGACCTTGACGATTTGGAGGCTTT
GAGGGAGCGAAGACTGCAGCAGATGAAGAAGATGGCGGAGAAGAGGAATCGATGGATCTCTCTTGCCATG
GCGAATACTCTGAGATTTCCGTTGAGAAGGACTTCTTCTCCGTTGTCAAGGCTAGTGATCGCGTTGTGTGCCA
CTTTTACCGTGAAAATTGGCCCTGCAAGGTTATGGACAAGCACTTGAGTATTTTGGCCAAGCAACATATTGAG
ACACGTTTTGTAAAAATCAATGCTGAGAAAAGTCCATTTCTGGCTGAGAAGTTGAAGATCGTTGTTCTTCCAAC
CCTTGCTCTGATCAAGAATGCCAAAGTAGATGACTATGTGGTAGGATTTGATGAGCTCGGTGGAACGGATGA
GTTTCAGCACAGAAGAATTAGAGGATAGATTGGCAAAT

>trans_s_3177 BT025539|Arabidopsis thaliana At4g03180 mRNA, complete cds

CTTTTCTTCTTTTTTCTTCTTCTATTTCTTCTCGTTTTTGACCTAATTCTTCTCAAATCTTTCATTCTCTCTCT
CCAACACAATGAAGAATCCAATGGAAAACACGAACATAAGAATCGCTCCAAATCGAAATTCATGAACACCAA
CAAACACAATAACATTAAACGATTGGGAGGGAAGGCCCTTTCGCTTGAGGCATTCGCGAACGCTAAATCAACT
ACCGATTACTATAATCCAGCTTTGATAAAAAAGCAAAGAGAGTTCTATAAGAATGCCAAACATGTCAACAAGT

ATAAGAAGTTAGTAAAGCATCAGAATCAACAGAATGAGAGGCCTTCTAGCTCTACTGTTGGACTTGTGCGAGG
GTGAAAATGAAACCAAATTCGAGAATCAGACGAACGGTAGATGTGGTAAAGAAAGGAATAAAGGTGTACCT
AGTCTTCAGGCACTGTATGAGAGAAAGCATGAAGAGAAAGAGAAAGCAAGAATGGAGAAAGAAGCCATTAT
CGCTGCGAAAAAGGAAGAACGAGAAAGGGCTAAGGCTAGACGAAACTCCACAAGAGAAAAAATGTTCAAAA
GGACACAAAAAGGTCAGCCAGTTATGAAGTACAGAATTGAGCATCTTTTGAGACCATTGGAGCCTCAACGA
ACCACTAAGGCCTTTTGTGTTTTCTACTGAATTTGTAGAAGAATTTTTGTCCCTTAGGAAATGTATATTATA
TTCTCTGTACCTTTTTAGTTTGCTTCATTATACAATCAACGATCCAGGGTATTACAATTTTAAGCTAATCTA
AATCATCCATTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAA

>trans_s_3178 AL161589|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 85

CACGACGGCCAACTCTTTAACCATGAACGCACACAGCTCTCTCTTTATCTCTCTACTTGCTCACTGAACATTTCG
CCATTTACCATATAATTCAAAGATGAGAAATCTGAGATTTTTTCTTCTCATTCTCTAGGATTCGTAGAACCTTC
GCTCAAAACCCCTTCTCCGTTTCTCCGTCCACTCGTCACATAAATCTTCTGCGGTGGAACTTTTGCATCGTCG
TCATCGGTGAACCATCGGAATTACCACTGCTTACCCGAATCAAGACCAGCTCCTTCTGAGAGAGTTTCGGC
CATTGTGGATGAGATCTCTGGTCTCACGCTACTCGAGGTTGCGGACCTCACGGAGGTTCTTCGGGAAAAATTG
GATGTGAAGGAGATGCCGTAATGACAATAATGATGCCTGGGACGGGGTTCGGTGGCGTTCAAGGTGCCGG
TAAAGGTGGTCTGGAGCGAAAGGCGGTGAGGAGAAAAAGGAGGAGAAGACGGCGTTTCGATGTGAAGCTT
GAAGCTTTTGATGCTGCGTCCAAGATCAAGATCATTAAAGGAAGTGCGGACGTTTACGAGTTTGGGTTGAAG
GAGGCTAAGGATTTGGTGGAGAAAGCGCCTACGCTTTTGAAGAAGGGGGTGAATAAGAGGAAGCTGAAAC
CATTATTGCCAAGATGAAGGAGGTTGGCGCCAAAGTTTCAATGGAGTGAGGATGCTGCAGAAAATACCAATC
TTTTATGGCAATTTCAAGTCAGGGCAGCAGTTGAAGATATATGGTTGTCTTGAAATTCATGTGGGATGGTTG
AGGACATGGGATTGTTTGGTTCNTCAAAATATATGGAGCATTCTT

>trans_s_3179 NM_179714|Arabidopsis thaliana TET8 (TETRASPANIN8) (TET8) mRNA, complete cds

ATTCTCCTTTCTTCACTCATTTTCCGTTTCTGGGTTCTCCTCTGTTTTCTTTATTCCAATATCATGGTGAAACTCA
GCAATAATCTCGTCGGGATTCTCAATTTCAATTACCTTTTTGCTCTCTATCCCCATCATCGCTGGTGGGATATGGC
TCAGCCGACAAGGTACATCCGATTGTGAGAAATTTCTCGACACCCCGTAATCGTCATCGGTGTTTTCTTCTA
CTTGTCTCACTCGCGGGTTTCATCGGCGCGTGTGTGCGGTGAGATGGCTTCTCTGGATCTACCTTTTCGTTAT
GTTCTTCTCATCTTCTTCTCTTCTCGTCTTACCATCTTGCCTTCGCCGTACCAACAAAGGCGCCGAAAAGT
TCTTTCGAACAGAGGATATAAAGAGTACAGACTCGGTGATTACTCCAAGTGGCTACAGAATCGCGTCAGGAAC
AACAAAGATTGGAACAGAATCAGAAGCTGTTTAGTCGACGGCAAGGTCTGTGCCGAATTCAACCAGACATTC
GCTTCTGAAACCGTTGAGCAATTCTACCAAGAACAATTATCTTCAATTCAGGTACGATTTAATTCGCTTAAAG
GAGGATTCAAGTTCTAATTTAAATTTAAGTAAACCACCCCATAAATAATTCATAAGTAACGAGAGTTTCTGTG
TGAATTTTCTGTAGTCTGGGTGTTGCAAACCGGCAGATGAGTGTAATTTACGTACAAGACACCGACTCAGTG
GGATAAACCGGCAAATGTTTCAAGTTTTTCAATCCGGACTGTGGTTTGTGGGATAATAGACCCTGAAAGCTG
TGCTTCGATTGTGAATCCCTGCAAGGTGGAGTCTT

>trans_s_3180 AY106586|Zea mays PCO088725 mRNA sequence

TCCTCAGTTGGTTCCTGCTTGGCTAGGCTGTTGCCTATCAAAGGAGATTTAATTGAAGCAAAGTTGGTGCATG
ATCAGCTTTGTTCAATGGTTGAAAGGTCTGATAAAGAACTCTTAGGTCCGAACAATCAATATCTTCCCAAAATT
GTTTCCATTTTGTGAGGTTCTATGTGCGGGTAAGGATCTTGCAACGGAGCAAAGTCCAGTAGAATGGTAA
ACCTTTTGAGGCAGCTTCAGCAAAGTCTACCACCGTCCACACTGCATCAACCTGGTCGTCTTTCGCAACCGCAA
CAGCAGCTTGCACTTCAATCAATCCTGTCGTCTTAGTGTAATTGGAATTGGCAAGACAGATCATATTGTGTCAG
ATCCTGAGTTGGTTAACATCTTGAATGGGTTGGTTGGCTGTGTGTTTTGTGGTATTTTTGAAGCGTTTTAG

CCCATAATGTCATCATCTCATCCCTTTGCATTACGAAGCACAGCAGTCATCCCTTGAAGAAATCTGCTGCTG
CTGCTGCGGCATTGGCGTCGCGTGTTTTCTGTATCCTGTCTCATAATGTATTATTTATTTTTATGCGCTTGTTT
AAAGCATCGATTTTGCATGGTCCAAAGGCGACAAGAAAGAGTTGGTTATAGTTTGTGTGTATAGTACAAAATT
ATTGGTGAAGTAGAGTCCCTACCCCTCAGAAAAAAGAGTGAAGCAAGCAAAAAATAATGTCGAGTGTTAA
TTGTTATTTTGAAGCTTTGAAGTTTGGAAAAGTTGAGGTCAAAGCGTGTCATTGAAACAAAGAACGGGTAAG
TTTTGGTATTTGATTCTTTAAAATCTTCAGTATGATTAT

>trans_s_3181 AF404770|*Elaeis oleifera* 40S ribosomal protein S15 (rps15) mRNA, complete cds

ATCCTTGCAGATTCTGAAGCTTCCTAGCGCCGATTAGGTCTATACCTTCTCATCCCGGAGATCCGAAGACGTTA
ACCATGGCGGATGTGGAAGCCGATGTTCCAGTTGCTGGACAACAGCCAAAGAAAAGGACGTTCAAAAAATTT
AGCTTCCGTGGTGTGCGATTTGGATGCTTTGCTCGACATGTCCACCGATGAGCTTGTTAAGCTCTTCACTGCCCCG
TGCTCGCAGAAGGTTTCGTAGGGGTTTGACAAGGAAGCCAATGGCCCTTATCAAGAAGCTCCGCAAAGCGAA
AAGGGAAGCACCTCCCGGTGAGAAGCCAGAGCCCGTCCGAACTCACCTTAGGAATATGATCATTGTGCCGGA
GATGATAGGAAGCATTATTGGTGTTACAACGGGAAAACCTTCAACCAAGTTGAAATCAAGCCAGAGATGAT
CGGCCATTACCTAGCAGAGTTCTCCATTTACATAAGCCAGTCAAGCACGGTAGGCCAGGTATTGGTGCTACC
CACTCTTCAAGGTTCACTCCTCTCAAGTGAAAATCAGAGTCAACTTGTCTTGCTTGCTTAGTTTTGTTATATTTCT
CTACAAGAAACTGAATGTTGATCAGATTTTGTCTTAGTTTTTGCCCAATTTTCTATATGCTTGATATCTGATTA
GTACGATGGAGGCTGGAGGTATTAGTTTTTGAAGCTGTACTGTAAAAATTTTAATTCTACTTGTTTCAACTA
AATGTAGACTCGGCTGCTTCGTAGTTTTGTTTTAGTTTTACAAAATGTTATGTATCACCAATTTTCTATATTAC
TTTTTTTTTAAGTCTGGATGGATGGTCTATNCAATG

>trans_s_3182 NM_113878|*Arabidopsis thaliana* AFP3 (ABI FIVE BINDING PROTEIN 3) (AFP3)
mRNA, complete cds

ACGCAAGGAAGCCTTTCGCAGAGTTATACAACCTGAAGGACATGGAAGTGTGGGATCAGCAAAAGGCTCATCC
ACTTCTCAATCATCACTGGAGTCAAATGACAGAGAGTCAGTAGTGAACACAAACAATGGCATCAAGAAAAA
CGGAAAAACCACCAACAAATGCAGCAAAAAGAGCGAGAATTTCCAAGGCATTGATGGAAGGGGATAAGGGG
ATGGACGTGATGAGAACGATGCCAAGCGTGTAACGATCGGGGACGGCCGAACGGGAGGAAGGTAGAAG
GGTTTTGTACAAGTATATGAAAGGGCAAGTTTGCATAGTGTGTGTATGCCATGGAAGCTTTCTTACTCCAAC
TACTTTGTGAAACATGCTGGTGGGAAGGAAGTGGCTAACCCCTGAAACACATCCATCTATGCTGCACTTCAT
TTTCATTGTAAGTTCCAGTTAGTTGCTTAAATTACTGTACTCCTTGCCCTTTTTATTTAGGAAATTACAATGGAA
AAAAGAACTGAAATGTTTTCTCTTCTGATTTCTCTCTGGCTGTTTGGTTTTAGGGAAAAATGAAAGAAAAC
ACCAAGAACAATGAGGATCACAGCATCAACTTAATGAGAATATTGTTGTTAATTGTTACCATCATTTTTCTGTTT
CATTACTTTCATGATTTTCTAGAAATCTTGATGCAGGTTCAAATCACAGCCAAACCAAGAATATTAACAATG
CATTTTAATGATTAGTTACTTACCATTTTGTACATACCTTAATCTATTTATATATTTATTTTATATAACTCAATTT
ATAAGTCACTAATTGTGACCATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3183 NM_180174|*Arabidopsis thaliana* zinc ion binding (AT3G02860) mRNA, complete
cds

TAGTTGGGAGAAAAAAAAAACTCATAATAAAGAAGAGGAAATAGTGAAAAGAGGAGAAAAAAAAAGGAATTCT
AGCCTTCACCTTCTTCCCCTCTCCCTCGAACC GCCGCGCATCCTACCTTTTCTCAATCTTTTTCTCCGGCGACA
CTTCAGCAGCCACAGGCGTTAGGCAGTGACGACGGTAGCCTAAATCCACGGTGGTCCACGTTACCCACGAAT
CTGACTTGCTTTGTGAGCCCGACGTCGAACGGCTTTGCCTAGACTCTCGTGGTATCGTATTTCTCCGTTTGAG
CATCCGGCGTGAAACAACAATTGTGCATCACGTTTTGACGACTCGGCGTGTGTTGACGAAAGTTTTAGCTTG
GGGGTCTGTAAGAAGGAAGAAAGAAGGCCAAAATGGATGCTCAAGCCAAGAGAAAGGCATTGTTTCGTGCT

AAATTGAACGCCCAAAGAAGGATAAGCGCATTGATTCTCCTCTCGTCAGGTACAATGAATTGGACCAACCTG
TCTGTAGGGTTTTCGACATGGTCTTGAAATCAGAAGTTTACTGGGATGCTCACCAATCTTCTCGCAGACATCAT
GAGGCAATACAAAATCTCAAAGCCAGTGCAGCAGGCAGGTCTGGAGTTGAAAATATTAAGCCGAGGCCCAT
GCTGAACTTCTAATAACAGATCATTAGATTCAAAGAAAGAAATGACTGGGACAGCGTCAGAGTTACCAAAAC
GTCCGTCATCATCTGTGCTTCCTTCAGATTTTTTCGACCAGAATGCCAAAAGGCTTAAACTGGAAAGGATATT
GTAAGTGAATTCNACGTAGTGGTAGCATTGCACAGTCAGAGGTGA

>trans_s_3184 NM_103032|Arabidopsis thaliana PRPL11 (PLASTID RIBOSOMAL PROTEIN L11);
structural constituent of ribosome (PRPL11) mRNA, complete cds

GGGGTTTATCCGGAAAGAATTGTGAGAGCTCTCTTGTTGGTTTGCTTATCTATGGCGTCTTCCCTCTCCAC
CTATCATCAACACCATCTTCTTTCTCCTTCATTTTCTTCCAAAATTTCTGCCAATCCAACCATCTTCTCTCCATT
TCTTACTTCATCCTCTTCTGGGTTGTCTTCAAAGTTCAATTTCTCTTCGTTTCTCACCAATGGCCAATCTTCCT
CCCTTATCTCTCACACTCCGAGACGTCTCAGTGTTGTTTCAATGGCCCCCTCTAAAGCCAAGCCTGGTGGAAAA
GCCAAGAAGGTAATTGGGATGATAAAGCTTGCTTGGAGGCTGGAAAGGCTACCCAGCTCCTCTGTAGGC
CCTGCTCTCGTTCCAAGGGTGTTAATATTATGGCCTTCTGTAAGGATTACAATGCCAAGACAGCCGATAAGG
CCGGCTATGTTATTCCAGTTGAAATTACTGTTACGATGATAAAAGTTTTACTTTCGTGTTGAAGACTCCACCTG
CTTCAGTTCTTCTCTCAAGGCTGCTGGAGTCGAAAAAGGATCAAAAGATCCAAAGGGAGAAAAAGTGGGAA
AGGTAACCATTTGAACAGTTGCGTGCGATTGCGGCAGAAAAGTTACCAGATTTGAATTGCACGACCATTGAATC
TGCAATGAGAATCATAGCAGGTACAGCAGCCAATATGGGAAATGAAGGTGACCTCCTGTCCTTGAACCTAA
ACAGAAGGCAGTTGTGTAGTCATTTGTGATCAATCCCTCTATTCTTTCACTTTTTTTTTGTATGCTTTTATCTATT
CCAGGTACCTTACCTTTAAAAAGATTTTACAAT

>trans_s_3185 NM_129784|Arabidopsis thaliana rhodanese-like domain-containing protein
(AT2G42220) mRNA, complete cds

ATACACTCAGAAGCTCAAAAATGCTTAATTCATCGTCTTTATCTCATACAATGGGAGGAATTGGGCCTTGCTGT
TCAACTCTTCCTTCAAGAAGCAACCCAAGGACATCCTGGTTAACTTTAAGGACTGTTCTCATAGAAGAACCTA
TCCAGGGAAACAAGTTCTTCAGAGAAAAAGTTGGAATTAAGCTGAAATAAATTTTGTCAATGCTGAAGAAGCC
AAAAAACTAATTGCAGTTGATGGATACGTAATCGTTGATGTTGCGGACAAATCGCAGTTGATCGAGCTCACA
TTAAATCGTGTTACCATGTCCCCTTTTCATTGAAAACCAAGACAATGATCTTGGAATCATATAAAAGGACA
GTGCACAACAATTTTTCTGGTCTCTTCTTTGGATTGCCATTTACAAAACCCAACCCTGAGTTTGTGCAGTCTGTT
AAAGCCCAGCTTTCACCTCAAAGCAAGTTATTGCTAGTTTGTGAGGAAGGATTAAGATCCACTGCTGCTGCCG
ACAAGTTAGACAAAGCTGGTTTTGAAAACATTGCTTGATAACTTCAGGACTCCAATCTGTAAACCAGGCAC
ATTTGAATCGGTTGGTTGACCGAATTACAAGATGCTGGGAAAGCCGGTTTGGTGACGATCCAAGGCAAAAT
TTCAGCTGTATTAGGAAGTGTCTTATCTGCTGAGAAGCTGCTTCAAATGGCACCAACAAGTTAAACTTCTTAT
ATTGTCTAAACATTAACCCCTTAATTTATTTTAAATTTTCTTTAGTTTTAATTTTGTGTTAGATATTATTCT
TAATTGCTGTCATTAATAATGCATGTATATTTCTAC

>trans_s_3186 NM_148698|Arabidopsis thaliana legume lectin family protein (AT3G09035) mRNA,
complete cds

AACACCCAATGTCCTATATTCTTTACTTTCTTCTTCAGCTTTCATCTATCTTCAAACCCTAGTGAACCAATAAAT
CAATACAAACAACCTTGCAAAAAAATAATAATAAAGGAAAAAGCTTCATTCTCAGTTGAAGAACATGTTT
TACTCCACAATCCAAAGCAACCACACTAATCTCCTTAACCCACAAATCATCTCCTTCAACTTCTCACACACTTCA
TTCATGGCCGCTTTCATTTCTTAACCTTTCCCTCTCCCATCATTTCCATCTTCTTATTCTTCTCCTCTTCTTC
AAATCTATCCATTCTCTTCGTCTCCCTCATTTTCCCTTCTGGGTTTCATGGAGATCCGCAGTTTGAGCTGAATG

TTGCTCTGTACGGCGGTGCGGCTGTTGTCGGCGGCGGTGCTCTCCAGCTTGCCAGTTCTAGCGGTGGACGAAT
CATTTACAAGAAACCCATCAGGCTTCTTCGAGGTAAACCGAGGAGATTGATGTCTTTCTCTACAGATTCTCGT
TTTCTTTATCTCCAAATTCAGGGGAGAATGGATTGGGGTTTGTTATTGTTCTAGTAGTTTCAATGTTAGTAGTT
TTGGTGATGGACATTTGGGTTTCACTTTGGATCGGAGATGAAACAGAAGTTAAATATGATCCTTGTTAAGTTT
ACTACTTCTTCTGATGCTGAAAATGGTGATCTGATTAAACTTTGGTGGGAATTGATGTGGGTTATAAGAGTA
ATAAATCATTAGCGGATTCAGGCAATTTTTCAAACAGTTCGTGGGCGTCAATTAGAGGGAAGAATTTACACGC
TTGGATAGATTACGAGGTGGGTTCTAGG

>trans_s_3187 BT015152|Arabidopsis thaliana At2g43940 gene, complete cds

TTCAGTACTTAGTAGAGCTGCTCCCCTGCAAACCCATCGAGCTTTGACGCTGAAATTGAGGATGAACCAAAT
TCTACAGAACATAAGGCTTCCAAATTCATCATCAATCGCGCTCCATGAGTTTCAAAGGTTATGGGCACAG
ACCATTCTGGTGGTTGGGACATATGCTGGGAGCACGGTCTAACACCATGGGACTTGGGACAACCAACGCCTCT
GATTAGCCATCTCTGTGCAACAGGAGCTCTTCCAAATGGTCGTGTACTTGTGCCTGGATGTGGAAGTGGCTAT
GATGTTGTACAAATGGCATGTGCTGAACGCTATGTTGTTGGATTGGACATATCAGACAATGCCATTCAAAGG
CAATAGAGCTATCTTCCTCATCACCAAATATGAGACACTGTACCTTCTTAAGGGAAGATTTTTTCAGTTGGAGA
CCTAAGGAATTATTTGATCTGATTTTTGATTATACGTTTTTTGTGCTATTGAACCTGTCTTGAGACAAGTTTGG
GGACAACAGATTGAGAGACTATTGAAACCAAATGGAGAGCTCATAACACTAATGTTTCCAATTGATGATGACC
ATAGTGGTGGACCACCTTACAAAGTTTCAGTTTCAGATTATGAGGACGTGTTACATCCATTGGGCTTTAAGGCT
GTACTGATCAAGGACAATGAACTCGCCATCCACCTCGCAAGGGACGAGAGATGATTGGAAGGTGGAAGAA
GAGTTTATCTCAACCTTCACTCTAACATGTTTTAGCCGCTCTTTTGAAGTTGAGGTTGGTTCCTTTGTCTTTAG
TTTATTCTCCATTTGATCTTAATCTTTTAAAAGTCTCATCT

>trans_s_3188 DQ372572|Gossypium hirsutum isolate vdrg16 disease resistance-related mRNA
sequence

CATTCCATTTTCCAATTAACAAAAACAACATTATGGCCTCTCTTCCAATTGCATTCTCTCCCGCCGCCGGACGCGT
ATTGCGAGCCACCGCGGCCAAAGGCGCCGGCGAAAGCAAGAAAGAAAAGGGCCTTCTTGATTGGATCATCG
GCAGCTTGAATAAGGATCAGCTTCTTGAAACCGACCCTGTTCTTCAAAAAGTCGAAGGCAAGGACGGTACCTC
CGGTAACGGCACCGGCACCGTCCGCGGCCGAAAGAATTCCGTCCAAATCCCCCAAGAAGAACGGCGGCGT
CTTTGGTGGTCTCTTTGCCAAGAAAGACTGACACTGGCGGCGGGGCGGCGGCCATTTCAACTCATATATAA
TTTCTTTGTTCTGTTGCCTTTTTCTTTCTCATGTTGCTCTGATTGATTATTTTCAATACTATCTATGGTTACATT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAATTTATAAAACCCCCC
ACCCCGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
TTAAACCGCGGGGGGGGGGAAACCCGGGGGTTCCCAATTTAAACCCCTTGGAACAAATCCCCCTTTCCCC
GGGGGGGAAAAAAGAAAAAGCCCCCCCCATTCCCCTTCCCAAAATTTCCCCCCCCGAAGGGGAAAGGGG
ACCCCCCTGGAACCGCCATTAACCCGGGGGGGGGGGGGGGGGGTTACCC

>trans_s_3189 XM_002315671|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription
factor (ERF33), mRNA

CTCCTCTAAACGACTGCCAAACAGAGACACCACCTTCTCCTCCTCTTCTTTTCAATTTCTAAATTCTCAATCA
AATTTCAATCCATGGATTACTCTGTATTCTTCTCCCGGTTTCCGATTTCTCATCCGAATCATCTTCGGTTCACC
CGAATCCTCCTTCACCAATTTGGATCACAATTTTCTCCCTTCAATGAAAATGACTCAGAGGAAATGCTTCTTA
TGGCCTAATCTCCGAGGGGACATACGAATCCTCCGATACAGTATCGGAACCGTGCAAGTGAAGGAAGAGGA
AGTCGATTCCATCGGAGAAGAAAGCCCAAAGAAAGAGAGGGCTTATAGAGGAGTTCGCCGCCGTCCATGGG

GGAAATTTGCGGCGGAGATTAGAGATTCCACTAGACATGGTATAAGGGTATGGTTGGGAACCTTCGATAGTG
CCGAAGCCGCCGCTTTGGCTTACGATCAAGCTGCCTTTTCGATGAGGGGTGCTGCCGCAATTCTCAATTTTCCT
GTCGACAGAGTTAGAGAGTCTCTCAAAGAGATGAACGGCGGCAGTGGCGGCAGCGGTAATAGTTTAGCCGA
AAACGGTGGCTCTCCGGTGGTGGCGTTAAAAAGAAAACACTCAATTAGAAGGAAAGCCATAAATAAAAAAGAG
CAAAGAGAGGGATGTGAGGATTCAAATGTGGTGGTTTTGGAAGATTTAGGGGCAGAGTATTGGAAGAAC
TTTTGGGATCTTCTCAAAGTGATAACCTTCTTGTTCTTTCTAAAATCAAATTATTATTATTATTATTATTTT
TTTCTCTTTTTTATTTTCATCTCATTTGGGGATCTCTTAATTC

>trans_s_3190 EU374217|Populus alba x Populus grandidentata cell-wall invertase (INV1) mRNA,
complete cds

AAGTCTAGATAAAGCGGAGCCATTTGATCCAAGATGGGTAGATGCACAAGCCGCATGTGATCAACTGGGTTT
AAAGTCCCAAGGTGGAGTTGGGCCGTTTGGGCTTCTAACCTGGCTTCAGAAAACCTTGAGGAATTCACCTCT
GTATTCTTCAGGATCTTCAAGGCCCATCACAAAGCACGTGGTTCTTATGTGCTCTGATGCCAGAAGCTCTTCTT
GAAGGAAGATGGATTATACAAGCCAGCATTGCGGGCTATGTCGACATCGATTTATCGAGTAAAAAGCTCTCA
TTAAGATCTTTGATTGATCATTGGTGGTAGAAAGCTTTGGAGGAGGAGGAAAAACATGCATAACTTCAAGG
GTATATCCAACAAAGGGAGTGTTAATGATGCTCATTTGCATGTGTTCAACAATGGAACAGAGGCTATCACAG
TAGAATATCTTAGTGCTTGGAGTATGAAAAGTGCTAGGGTGAATTAAGTCTTTAAATTAGAATCTTAATTAGA
ATGTGTTTGTGTTGGCTTTTTTTGGGCTTTAAATTAGTAGGGAAAAATGGAGGGTAGTGAGGGAGGCAGGTTA
ATTTAGGTCGTAATGAGAGATGGCTGCTTTTCACCTTCTTACTTTTGTCTTGATGGATCTTGAATAAGAGTTG
ATCTTGACCTTTTCGGTTGAGATTTATATCCCTCTTGTTAAACTTGATTACTTATTTATTTTAGCCCCATCCTTTG
CAGAACATATTTGAAAATGATTGTAGTGATATGTTGATAAAAAAATGTCTTCACAAGACATGGTTTAATTTAAA
AAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3191 NM_001075086|Oryza sativa Japonica Group Os11g0706600 (Os11g0706600)
mRNA, complete cds

ACTGTCATAGTAGACTTCTTCTTCATGCAGCAACTGGAATCGTCCTCACATGGCAGGGCAGAAAGTGATGGCA
TAACGTGAAACCTTACATTTACGGAGGCTGGAAGGGTCTGCAAAAGCATAGGTGTAAGCCTTGGGGCACATG
GCTTTGAATAAATGAGCAAATAGCGTAGGCCTGCAGGTTTTGGGGTTTGCATACTTCCCTGTGCAGCAGTACT
TGGCTGATTGCATGGCTAAGCAGGCGCTTGCACCCCACTTTTCCATTTTCTTCACCTCCAATTTGGGTG
GACAGAAAATGTTACATCAATATCACAAGACGCAATGCCACAGCCAATCCACCCCCAATTGGCTTCATTGAA
AGAGGCAAGTTGAAGCCATCTACCAAGCTAACATCATAATAATGCAAGGGTGAAATAGATGATCCAGAGTT
ACTTCAACAATAGTTGCTGGAGGAACACCAGCTGTGCCTCTACAATGTAATCGTCCTGAACAATCTCCTGTATC
ACACGAGCCTTTACCTTCATGGCTAAAAGAACAGCCTTGCTTCCCCAAATCCTCCCTGACCACTTCTTTGGCAC
TTCAACCACTACGTGCTTGCTCTGCCAAGATGAAAACCACCATCCATTGGCGTATTGTGGCCCGAATTGCCGA
GTAATCCAGGCCAGACACTTTCATTACAGTTGTTTACTAAAATTAGCTGTTCTCCACTTGTAAGTGAGATGGAG
GTTGCCAAACAGAAGATGAGAAACAGACAGGAATGCATGATCTGAAACTTATGAACAGGCTTGCAATGGTG
ATGAAAATTCTGAACATCTATTTTGTGGTCCGATTTTGATT

>trans_s_3192 HQ284165|Populus tremula x Populus alba lateral organ boundaries domain 1
(LBD1) mRNA, complete cds

AAACGAAGCCCTCTCCGTTTCTTCTTCTTCTTCTCTCCTCCTCCTCCGTTCTTTGCTCCGATAATCGGAA
AATGGAAGGAAGTGACTCACTACAATCACCACCGTTTCTTCAACTCCACTATCCAATCTCCTTCTTCTTCTTCT
TCTCCGGCACCAACGCCGCCGCTTATTCTCAGTCCATGTGCGGCCTGTAAGATTTTGCACGCCGATGTGCCGA
GCGATGTGTATTGGCTCCCTATTTCCCTCCCACTGAACCGGCGAAGTTCGCCATCGCTCATCGAGTTTTTGGCG

CCAGTAATATCATCAAATTCCTGCAGGAACTGCCTGAATCTCAAAGGGCAGATGCAGTGAGCAGCTTGGTTTA
TGAAGCAAGTGCAAGGATTAGAGACCCTGTTTATGGGTCAGCAGGGGCCATTTGCCAACTCCAAAAGCAAGT
CAATGAGCTTCAAGCCCACTAGCCAAAGCTCAGGCAGAGGTTGTCAACATGCAATGCCAACAGCCAATCTT
GTGGCCTTTGTTTGCAGGGAATTGGCTCAATCTCATCAATCTTTTGATGAATCAATGGCAGCCCACATAATGG
ATTATTACAGAGCATTAACTCCTCCAAGTTACTTTGATGATAGCAATAATGTAACTCGTTGTGGGAACCCCTTT
GGACATGAATTTTATTTAGTTTTTTAGGTTTGTGGATGTATGGTGTTCGATAAAATGCTCCAACGAAGTTTCTC
CAAACCTCTCTTGAGAGCCAAATTTGAGGTTGTGGGAAGGAGAACTTTGTGGAAAAAATACAACAGAAATTTT
AGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3193 XM_002300050|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE903),
mRNA

GCAACGAAAGAAATCTAATGTTCCAAGCCATAAGAAAGGACAAGGATCCAGTCGGGTTGCTTCAGATAAAGT
TGGATCTGCTGCACAAGCATCTGTTTCCAACACCTCAAACGCTACTTCAGCAATTTTGATGAAACAGTGTGAAC
AACTACTGAAAAGAGTAATGTCACACCAAGTATGCCTGGGTATTTAACACCCCTGTTGATGTAGTAAAGTTAAA
TCTCCCCGATTATTTACAATTATCAAACACCCCATGGATTTGGGAACGGTGAAATCTAAGTTATCTTCTGGAG
CGTATTCAAGTCCATTGGATTTTCTTGCTGATGTGAGGCTTACTTTCTCTAATGCAATGACTTACAATCCACCTG
GCAATGATGTGCACGTTATGGCTGATGTTCTCAATTCATATTTTGATATGAGATGGAAGGCTATTGAGAAGAA
ACTGCCAAAAACGGATGGTCATGCATTGGCAGCTAAATCTAGATCTCGAGAAGATGTTGATACGGTTAAACAC
GTGCCTCTAAAAAGATGAAAGTTGCTTCTAGGTCCCAAGTAACACCCATACCTCCAAGCGTGTAATGA
CGGATGAAGAAAAGCTTAGTCTGGGGAGAGAGCTGGAGTCACTGTTAGGAGAAATGCCCTTGCATATAATTG
ATTTCTTGAGAGAGCAAAGCTCTGGTGGAAGGGAATGCGGAGAAGATGAATTTGAGATTGATATTGATGATC
TCAGTGATGATACACTTTTCAAATTACGGAAGCTACTAGATGATCATTTTCAGGAGAAACAAAAGAATAATGC
TAGTGCTGAACCGTGTGTGATTGTCAACACTCACACAGTACACAT

>trans_s_3194 AY525163|Cucurbita pepo omega-6 fatty acid desaturase (FAD2) mRNA, complete
cds

TCTCAAATAAAGGAAAGAAAAGTTCACTCATAGAGAGAAAGAGAAAAATAAGGCTTCGTTGCCGGCGATCT
GAAGGCGGCGGCCATTTCTCTCGGGAGAGAGAAAGAGAGAGATTGATAGAGCGGAGAGTTGAGGCTCTCT
CAAACCTTCGGTCCTCTTCTTCTTTCAGGACAATATCCTTTGAAAAAATGGGTGCTGGAGGTGCAATGTCCT
CTCCTTCATCTCTCAAGAAGTCAGATTCTGACCACTTGAAGCGAGTACCGTCCACAAAACCACCATTCACACTT
GGTGAGCTCAAGAAAGCTATTCCACCACATTGCTTTCAACGTTCTGTCCTTCGTTCTTTCTCCTATGTCGTTTAT
GATCTAACCTTAGCCTCTATCTTCTATTACGTTGCAACCACCTATTTCCAAAGCCTTCCTAGCCTCTTATTTTATC
CAGCCTGGGCTTTGTACTGGGCTGCCAAGGCTGCGTCTTACTGGCGTTTGGGTGATTGCCCATGAGTGTGG
CCACCACGCCTTCAGTGATTACCAAGTGGCTCGATGACACCGTTGGCCTTATCCTCCACTCGTTTCTCATGGTCCC
CTACTTCTCTTGAAATACAGCCACCGTCGACACCATTC AACACCGGTTCTCTCGAACGTGATGAAGTCTTTG
TACCTAAACAGAAATCCGCCATGAAATGGTACTCCACATACCTCAACAACCCAGTAGGCCGTGTCCTCACCCCTC
ACCATCCAACCTGGTACTAGGGTGGCCTCTTACTTGGCCTTCAACGTCTCTGGCCGTCCCTATGACCGTTTCGC
CTGCCACTACGACCCATACGGTCCCCTACTCTGAC

>trans_s_3195 NM_001185984|Oryza sativa Japonica Group Os02g0305801 (Os02g0305801)
mRNA, complete cds

ATTCTCTCACATCCGAGTCAGTCATCTTCGTTTTTCAACGAGTCACGGTCTCAACTTCTTCCATTTCTTCCACT
CCCTCGCCGCCACCATCCTCCCCCGCTTCTGACTTGCCGCTGCCGGTCAGTTTCAAAGCGCTCTTCATGCTCG
TCAAACCTTCCATAAACTCAACCTTCTCTGTATTCTTATCTTTACTTCATAGGTTATTTGAGGGGAAAATCTGG

CTGTTTTTCATTAGAATTTAAGCAATGACTCCGACAGCTTCCGTCGCTTCTGATGGAGAGGCCAAATGGGAATT
CAGCTGTGACTTTGAAGTCGATTATGAGTCTGAGAAGAAAGCTTCAATTGTCTATAACGCTTTAATCGTCGATA
AAGAGTTACAGCCAGACAAGGTGAAAAGGGCGATGTCAATTTCTAATGGAAAACCTTCAATACACTTTGAGG
CAGTGGAAAGCAAGGTTTTTTCGCTGCATCATTAGTTCGTTTGTAGATGTGCTTACTCTTGCCACAAAAACAATC
GAAGATTTGCGACTCGAAGTGAATTCTGATAGCCTTACTGACCTATTTACATGGCTCTCAAATATATATGCAG
TGTCAATTTATTTCTTAAAGAAGCTCCGATTTTAATTTACATCTGACCTGTAATTTTATCACAATGTTTTGTCATT
GTTTGATCGAGTGTGACGCTCTTTCTCCGCCCATCATTGAGCATTGAGATCTAACAAGATAAACATTTTCAGT
AACAAATTGTCCTTTATTACTCCTTACAGTCAACCATATAACTACTTGATATCTTTTTCTTTTTATGCCAAGAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3196 NM_001067665 | *Oryza sativa* Japonica Group Os08g0178700 (Os08g0178700)
mRNA, complete cds

ACGATAACGCATCGTCTTCGCCTCTTCTCAAATTCCTCTCTCCCAAACCTAGCTTCTCATGATTTCCACATT
ATAGATCTCCCACTCCCTCCTTGGGTTATCCAATTACCCTAATCATGGCGGCCGGGTTCTCTGCCCTGGCCCTG
GTTTCCCGTGCTGCTCAGGATTCTTCTCTCCCTCAAAGAAGTATGTCTTCGAGACCCAGCAGAGGATGACAC
CACAGATCGGGGATGGGCCATTGAGGGGGGTGGCCAACCTAAAGTTTGTTGATAATTCTGGAGAATCTCAA
CAAAAAACGGATGGATTCTGTAGAGGCAAAAAGGGTTCAGTTTCGAGTTTCACAAAGGTGTAATTAACCATG
CTTATATGAGAATTGATGGGGAGCCATGGAAGCAACCCCTTCTGTGGAAGATGACAAAGTGTCTATAGAAAT
TAGTCATTTTGGTAGACCAACCTACCTTGCCGAGCTAAAGTGTGCATGACCTGTCTTCAACTCAGTCATAGCAG
CAAAGATTATGTTAACGAGGACGATGACTTTACAGAAGAATACGAGGCAGTACAGAAGTTTGGTGCAACTTC
TACCTTTAAGTATTTTGTGTTGCTGACACAGTTCATTATCAATAGTTTCTGACATCTTGGCTTTTCTGTTTTCA
TGTATATGTTTCATTGTCACCCGATGCATCTGACATGATTGATGAAGTAGTTGCCTCAGCACTAAAAATTTACTC
ACATCTATGGAATGTAATCTGCATTCATGTATAGGAATTTAATGACATCTTAATTAAGATTTTCAAATATTTGTA
TTTTTATATGTAAATAAGCCCCACGACTTGAGCTT

>trans_s_3197 AF008444 | *Arabidopsis thaliana* chloroplast processing enzyme (CPE) gene, complete
cds

AGGCATGGCCTCTTTCATTATTATTAATGAAAAGTTTGTTTCTGTTTATTAATAATCCCTTTAATGTTATTCC
TATCAAGTTAATGTTGATTTTCACTTGTTGAGTCTTCTACGTATTTTCAAGCTCACAAGTAAGAAGGATGTTAA
GTGTTTATATATTTATATTTACCTTGACCACTAGCTTACGCTTTTGGGTGAAATTGTGATTTAACATCTTTCAATA
CAACTAGTGTTAGATTTTATAGAAAGGAATAGAAATGGCATTCTACAGTATATACTATTTATGTGATAGTCCATA
TGTTCTTATTTTGTCTCTGTACTTTTATGCAACATCCAGGTGAAGCATGCTCGTATTGTTTGTGGAAGTGTAGG
TCCAGATGAGCCTCATGCAGCACCTACAGCCTGGCCGGATGGTATTCTGGAGAAACAAGATTAGATGTTTCA
TATCCTGAGTTTGAAGGGCAGAGTTAGAAGCATTCTTAGTTCAGAACTCCCGTCTCATCCGAAGTTGTATAG
AGGGCAGTTGAAAAATGGATTGAAGTATCTAATTTTACCAAATAAAGTTCCACCCAACAGGTATTGACCATTG
TGGTTCTTGAAGAAATAATTTATCAAGTGAATGCATTTCAATAATTTAAACAGTGAATACAGGTAAACAATATG
GAGATTTTGAAGTATTCATAAATAAAGCTTCATGTATATATATTTTCTGAGTCCAAATCATGATAACCAC
TAGACAGGGAAAACCAACTTAGATTGGTACTTTTTTAATTGTTGCAAAGATAGACGGATTCAACTTTTAATTCA
TTTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3198 XM_002865240 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* electron transporter protein, mRNA

ATCCAACAAATCACCCGCCAGCCCCAAATCCCAGAACCAACGACGAGAGCTCCGGCATCGCGACATCAGAG
ACGAAGAAGATGCAACTTCTCTCCGTAACCTCAGATTTTGTGGGCTATCAGTAGCCCTATTCTTCCCACTA
AATGGAAACCGACGGACCATAGTTTGTCAAATTCGTACACACGTTAAGATTCTTCAGACCTTGGCTCCCCCTT

GATTGCGCTGCTTCTACCATTATCCCCCTCAACAAAACCCAGGATGTCTTGCCTCGCCGAAACGACAGAAA
TAGAAAGAGGAGGTGCATTGTTTAATCAAGCTTGCATTGGCTGCCATGATGGAGGGGGAAACATAATTCAGC
CCGGTGCCCACTCTTTTCAAGTGATCTCGAAAGAAATGGAGCTGATGCCGAAGAGGAGATCTACCGTATTAC
ATATTATGGGAAAGGAAGAATGCCTGGTTTTGGTGAGAACTGGAAACCAAGGGGTGAGTGCACATTTGGTCC
ACGTTTGAGGAGGAAGAAATTAGGCTTCTGGCAAATTTGTAAAGATACAGGCAGATCGGGGGTGGCCAA
ACCCATAGACGGATATTGATTTTTGCGCCAGACTATTATTTCTTGTTTACCAAATGCTAATGTATGCTTCGTG
TATGAAATTGAAGTCTTACCAGTTAATATTCGCTAGTTCTTATCCGAATTGATGGCCTCACATATGTAGATGG
CACATCTCTAGCTAATATGACAACTGAGAAGATAGGATGGATTGTAGCTGTTATCCTTTTGATAACTAGCAGCA
ACGTATTATATTCGACAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3199 AF315733|Arabidopsis thaliana PRLI-interacting factor A mRNA, partial cds

ATAATCCTCTCTCTTTACTCCAAACCCTAATTTAGATTTCATAATCCCACAAATTATGAAACCTCAACACAAC
ACAGATTTCATGAAGTAATTCCTTTTTGAGTTCTCCCTTCAATTGTTGCGTACTACTGATAAACTTCTCTCTTT
CGATTTCTAGGGTTTCAACAACGGTTGGATTGTTTGTTCATACTGAATCGAATCTCCCGTGCCCTAATTTCTT
TTTCTGTTCTACCGTTTTCTTCTTGCTTTTTTTTTTTTTCTTTTATGTGTTTTCTGTAATTGGGGTATCCGAA
TTTTGAATTTGCTTCGATTGATGAATGATATGGATCATACTCAGATCTTAATGAATCATAACTTCGTTGTTTG
GACTCAGCCTCCCAATTTGCCTCCGGTTCTACCGTTGGAGAATCGAGGTATGTTTCTCAAGCCTCTCAGAGGC
CGCTCTCCACACCTCTACTTCTATTCATGGCCGATGTTTTAGAAAAGGGAAAAGGCCTGATATGAGGCGAAA
AGACTTAAGTGAACACCCTATAAAACCTCGAATTGGAACGAACACTACAGTACCAAATCGCTTGAAGTCGAGG
CGTTTTTATCCTAAGAAGAAGTCCAATTACCGTTTTCTCCATTTGCGCCTCGCAATACCACTTCTTCTTAATTC
GAGCCAAACGATCCGGTGGTATTGCGTCGTTGGTTTCGCCTTATCCGGTCACTCCTGCGGTGTTGCCGACTCCC
ATATTTTCGCCTCTTAGAGAAGTTCTTGTTGATATGGCTAAGGAGGAGTGGGGTCTTGATGGGTATGGCTCGA
CGAAGGGTCTGATTAGGCTTCGGTC

>trans_s_3200 BT003127|Arabidopsis thaliana At5g39890 mRNA, complete cds

CTTCTCCATTGCGAGATGCCCATTTTGACATCTCCTCTCAATCTGTACTAATCTGTACCTTCTCTCTCATCCTCT
TCCTCCCCTCTTCTTCTCGCTTCTCTTTCTCTCTTGGGTTCTATCCAGATCCCCGTTTTCTTCTACCCCTT
TTCCCCAATTTCTTAACTGCCACTTCATTTCACTTTCCAATCCCCCTTCTCTCTGTTGCTTTAATGGGGATTG
AGAGGTCTCTGGCTGATCGAAAGGGAAACAGTTTTGTGAATTGCCTAAAGAACTACTACGAATAACAAGC
CCAGAAAGAATCGGCGGCGGATGAGGAAATCCTCCTCCCGTTACCGGTTGAGAACTCTATGAACTTGTA
GGAAGTTTTGCTTCTAGTGGGACTGGAATCGTTCCTTCTTGAAGATATTGAACGCCTACGAGCTGTTCTGG
ATAAAATGGAGCCAGTAGATGTTGGGTTGTCGCCGGACATGCCGATTTTTGGACGACAGCCAGTCAACAAA
CTCCCCGATAACATATTTGCACCTCTATGAGAACAACTTCTCTATGGGAATATTTGCTTGCCTCCTTCAG
GTGTCATTCCACTTCACAACCATCCTGGAATGACAGTCTTAGCAAGCTTCTTTGGAACCATGCACATCAAG
GCATACGACTGGGCCGAGGTTGGTGCTGAGAATGGCGCATCTGCGTGTGTCGATACATCAAGTGGCACAGCT
CCTTCAAGAAGTGTTTCGGTTAGCCAAAGTTAAGGTAGATGCAGACTTCACAGCACCGTGCGACTCGTCGAATC
TTTACCCTGCAGACGGAGGGGACATGCATTG

>trans_s_3201 NM_118743|Arabidopsis thaliana CK1 (CASEIN KINASE 1); ATP binding / kinase/
protein kinase/ protein serine/threonine kinase (CK1) mRNA, complete cds

CCTTACAGAGAAAACAAGAATTTGACAGGAACTGCAAGATATGCAAGCATGAATACCCATCTTGGCATTGAAC
AAAGCCGCCGGGATGATTTAGAATCACTTGGATATGTTCTTATGTATTTTTAAGGGGGAGGGACTTAAAGCA
GGAACGAAGAAACAAAAGTACGAAAAGATTAGTGAAAAGAAGGTCTCCACTTCTATAGAGGCCCTTTGTCGT
GGATATCCTACTGAATTTGCTTCATACTTCCATTATTGTCGATCATTAAGGTTTGATGATAAGCCAGACTATGCT

>trans_s_3202 NM_201892|Arabidopsis thaliana ATTIM17-2; P-P-bond-hydrolysis-driven protein transmembrane transporter/ protein transporter (ATTIM17-2) mRNA, complete cds

>trans_s_3203 GQ377255|Populus trichocarpa DHAR class glutathione transferase DHAR2 mRNA,
complete cds

>trans s 3204 Y10225|C.melo ao2 gene, partial

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGTCCAAATAAACACATCACAATTGTATTGCTATTGAAATTATTTCA
ATAACTATTACCATTCTTCTGTAGGGAATCAGGACATTATATTTAGCAGCAACAACATTTACCTATACACTCAT
AACGACTCTATCGATACAAAGAATTTGGGTAAACATAAAGAATATTCTTCATGTTTCTTAAAGAATAACGATTG
GGATGTGAATGAGTTAAGGTCTCAAGAACCTCTTGCTCTCCCCGCATCCCATAATGGAAGTAGGCCAATTTCCA

ACCCTCTCGATCCCTTCTTCGAAAACAACATCCATTCCCATAAAGAAATGGGCGTCTATGTGACAGTGGAAGC
CCAAACCCCAGGATTATCCGCCACAAATCTCAAAGCCGTCCATCCATATGGGTGCAACGGCACCGTGTTCTTCA
TGATCGGATTCTCCAAATTGATTTGCTTGGATCGTTATAAATATCGAATTTCCCTTCTCCGTACCCCAAAACCC
AGAAATCGTGTCCGTGCAAATGCCAAGGATGTGTTTCGCTGTTGTTTGGGCTCATCATATTGGCGTTCTGTAGT
ATGATGTCCACAGTCGAATTGAAGTCCAACCGGAATATGGCGTCGCTACCGTCGCTTCAGGGTTGGGCGCCG
GATTGAAAATATCGTAGTTCTTGAAATCGTATCCAGTGGGTGGTTTTCTGGCTGAATGTATGGAGAAGATT
GTGCTTTAGAGCAATAAGATAAGGGGTATGAGGCATGTTGAAGGAAACGTTATTTAACGACCACCGGCGACG
ACCATTCACGGTGTTTTGGGTGTTGAGGAGCA

>trans_s_3205 DQ849630|Phelipanche ramosa methionine synthase (met1) mRNA, complete cds

TCTCTCTTCTTAGTGGCTCCCCATTACCATCGTCTCCTCTTCCCTATCTCTTATCTCTCTCTCTCTCTCATTTCT
TTTCTTTTATCCCAGGGGAGGCTCTGTCGGTGTTCCACTTCTCAAGAACAAATGGCATCTCACATCGTTGGATA
TCCTCGTATGGGTCCCAAGAGGGAGCTCAAGTTTGCTCTTGAATCATTTTGGGATGGGAAGAGCACAGCAGA
GGATTTGAAGAAGGTGGCTGCAGATCTGAGGTCGTCCATCTGGAAACAGATGTCTGATGCAGGGATCAAATA
CATTCCCAGCAACACTTTTTTCACTATGATCAGGTGCTTGACACCACTGCATTGCTTGGGGCTGTTCTCCTAG
ATATAGCTGGACTGGTGGTGAGATTGGGTTTGATACCTACTTCTCCATGGCTAGAGGAAATGCATCTGTACCA
GCTATGGAAATGACCAAGTGGTTTGACACAACTACCACTTCATTGTTCTGAGTTGGGGCCAGAGGTGAAGT
TCTCTTATGCTTCCCATAGGCAGTGGACGAATACAAAGAAGCCAAAGCTCTTGAGTAGACACTGTTCCAGT
CCTCGTTGGTCCCGTGTCATACTTGTTGCTCTCAAACCTGCAAAGGGTGTGACAAGACCTTCTCTCTCCTCTC
CCTTCTTGACAAGATCCTTCTGTCTACAAGGAGGTTATTTCTGATCTTAAAGCAGCTGGCGCTACTTGGATTCT
AGTTTGATGAGCCTACATTAGTGTGGACCTTGATTCTCANCAATTGAAAGCCTTCTCCGATGCATATGCTGAC
CTAGAATCATCTCTCTCTGGCTTGAATGTTCTTGT

>trans_s_3206 XM_002882549|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal peptidase I family protein,
mRNA

ATGGCTAAAGGTGTTTTCGGATGTAATAATTTGCAACGAAGTTTCAATTTCCATTATTTTATCGGCCTTTGCCT
GTTTCGCGCCCTCGTTTCTGCCTTAGGGTTTGGCACCAAGTTAGTGAGTGGTGATCTCCAGCGGATTTGCCCA
AAAATCTTCTCCTCTCCATTCCGCCACTGTCATATCAGTCTTCAATTGCTCCAACGCCTCAGGCATAATTTGGCT
CCTCACCGGAAACTTGCGGTTCTGTCTGTTGCGTACTATCAAATTCTAGTTCCTGACCCCTCAATTCACACTTG
ATATGCTTCCATTTGATATGCTTTGGTGATGGCAAACCGAAATTTAGTGGAACGTTGTGAAGAAATCTTTCA
CATTTGGAATTATAGGGGTTACGATTTCCGATCGTTATGCGAGTGTTGTTCTATCCGAGGTGCTTCAATGTCT
CCCACTTTTAATCCTATTGCGACTTCTCTGACAGGGCCAATGACTGGTGACTACGTGCTGGTTGAGAAATTTG
CCTTGAGAAATATAAATTTTCTCCCGGTGACGTGATTGTTTACCGCTCCCCTTGTAATTACAAGGAGAAACAAG
TGAAAAGAATTATTGCCTTACCAGGAGATTGGGTTGGAACCTGTCAAACATATGATGTTGTTAAGGTTCCAGA
AGGACACTGTTGGGTTGAAGGCGATAATCCAGAATGCAGCATGGATTTCGAGATCTTTGGCCCGATTGGTGG
CAGATTCCAATGGGTTTGATTCAAGGAAGGGTGTACATATCGTATGGCCACCTCAAAGAATTGGTGCTGTTG
AGAAAAAATACCCTCAAGGAGAATCAAATCCTACT

>trans_s_3207 XM_002886103|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPAP11/PAP11, mRNA

ATTGCAACCAAAACCAAAGTTATTAATTTTTACTTACTTATTTTATTATAATTTTCGTGTGTAACACAATACAAAC
ACCAACCTTCTTCAAGTAGTTATTTAATCTGCCTCTCAAATTCAAAATCCCTTCATTCTTCAGTGTTCCATTCT
TCGAAATTCCTGCCATGGCTGCGATTGCGCAGTCCATAGCTCTGCTTCTATTCCTCTCTCTCGCCTATCTCAGC
CATGGAGGTATTACCAGTAGGTTGATGAGGAACTTGAAGCTTCCGTTGATATGCCCGCCGAAGCTTTCCCTC
CACCTCCGGTCACAACGCTCCCGAACAGGTCCATATAACACAGGGAGATCGTAATGGCAGGGGGCGTTATAA

TTTCTTGGGTTACGCCATTGTCGCCTAACCTAATGTTGTCAGATATTGGGCTGCGGATAGTGATGAGGATCAT
GACCACACAGTACGCTCTAGAATCACCCTTACAAATATTATAATTACACTCCGGATTCAATCACCACGCTACC
ATTAGCGATCTCGAGTATGACACAAAATACTTCTACGAGATTGGGAGTGGCGATGCGAAACGTCGGTTTTTCT
TCACAACGCCTCCCATGGTCGGTCCTGATGTTCTTACACATTTCGGCATTATTGGCGATCTTGGACAGACTTAT
GATTGCAATCAAACGTTTGAGCATTACTATTCAAATTCGAAGGGACAAGCGGTGCTGTTTCGTCGGAGATCTTT
CTTACGCGGACAATCATCCGTTTCACGATAACAGGAAGTGGGATACATGGGGTCGATTGTTGAGAAGAGCA
CTGCGTATCAGCCATGGATTGGACTGCCGGTAAC

>trans_s_3208 NM_114672|Arabidopsis thaliana hypoxia-responsive family protein / zinc finger
(C3HC4-type RING finger) family protein (AT3G48030) mRNA, complete cds

AAGACGAAGAAGGCGGCAACGCAGCAACCTCTTCCTCCTCCAAACCAATTCGTTCTTTTTACTTTGTGGGTT
GCTTGATCTTCTTGCCTTTTTCTGATTTTGATTTAGATTCACTCTTCCCTTCTCAATCAACCAACAATGAGC
TCCGACGAACCCAAATTTGGACGAGTTCTTCGTTGAGAAGAAGCGCGCTAGGAACCTCTTGTCCCATCGGTG
CACTTGCCACTGCTGGGGTTCTCACTGCTGGATTAATAAGCTTTAGACGAGGCAACTCTCAATTGGGGCAGAT
ATTAATGAGAGCTCGTGTGGTTGTCCAAGGTGCTACAGTAGCACTGATGGTTGGCACGGCTTTTTACTATGGA
GAGAATCCTTGCGGTGCGAGTTAAACGTCCTGACTGCTTTATGACTTTCTTTTACCAACTGTTTTACA
TTGCGACATTTCAAGTAAACAATGAAAGATTTGTTGTCTTGCATCTTCTTTAGGTATAAGCTACAACGATATG
TTATTCAGTGATTTCGGTAACGATATTTATATATACTGAAATAATCCTTCAGGGGAAGGAAGTGTAATACGTATT
CATTCTTAGGCTTTGGCGTGTTGCCTTTAAAGATTAATCTTGGTGTAATATTGGAACCTTTTTTTTGCTTTT
TCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTATTCTAAGTTTAAAGTGTTATGTTGGAGCATTGACATTATAACTGAGAATCATTG
GGCCTATTTCAATGTCATCATCTTAGTTCGATGACCATCCATATATTATATTGGTATACATATCCCCTTATGGC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3209 AY307046|Hyacinthus orientalis cultivar Delft Blue microsomal signal peptidase-like
mRNA, partial sequence

CTCTTTCTCAGATTTCAAGACAAACCTTCGTAGACGGCGAAGAGAACTGAAACCGAAAAAGATTTCAAAAAATG
GCGACCAAAAATGCTAAAAAGGCCAATCTCTGGATCATCACTCTCTCAACACCTACTCGATGAATCTGTTTC
TGAGATTGTCACCAGTCGCGGCTATGTTGAAGACGTCAGGTTGAGTAATGTCAAATTGATTATGGGCACTGTC
ATCATCATCATAGCTTTGGTGGCTCAATTTTACAAAAAGAAATCCCTGAGAATCGCGATTTCTTGATCGGTTG
CATTATATTGTATGTAGTTTTTAATGGGATCTTGCAGTTTATTGTTTACACCAAGGAGAAGAACGCAATTTTGT
CACGTATCCTCCTGCAGGATCCTTCACCAGCACTGGGCTGATAGTCTCTTCAAACTGCCAGATTCTCAGATC
TGTATACACTGACCATATCTAGTTCGGATCCCAAATCAATTTCCGCCAATGAACCAGTTCAATTTACCAAGAGT
GTCCTCGCTGGTTTACTAAAGATGGGGTTTTAGTTGAGGGACTCTTCTGGAAAGATGTTGAAGCATTGATCG
ATGAGTATGCTAGAGAACCAAAAAAGAGCAAGTGATTTCTATACAAGCCTTCTTTAATGGGGGGGATCTAA
CTTTCAAGTAAAGTAACTGTTTTCAATTTTTCTTGCTTCTTTTCACTAGCAAACCTGAACCTATCTTTTCTTG
ATTAATAGATTTTAGAAGCAAAACAGGATGAGCCTAAATTTTCAATATCGTTTTTGGTAATAGGAATATACTCT
CTTAAGCCAAAAA

>trans_s_3210 BT011954|Arabidopsis thaliana At1g11320 mRNA sequence

AAACTAAAGTTGCCGCTCATCTTTCAATTCAGAGCTTCAATTCGCTTGATGAAATCCAATTCATTTGTCTGAAG
GTTACAAAGAAAGCCCTAGAAAATTCATTTCTGGTAGGTCCAACCAACTGGGTCTTCAGGTTCCACCAACGAT
GGAGCCAGTAACATTCGTTGTCGACAAATTAAGGTTTCGGGACCGCAACCCAGAATTTTTTGTATGGCTTA
GTTTCATCGCCGCAAAATCAGCTCGCCGGAGTCCGATTGAAATCTGAAACGGCTACAAAGGGAAGCATTTT
CGGATTTAATGAGACTTCGGGACAGACAAGACAAGGTTGAGAAGGTACTATCCCTTTATAATACACAGAGGA

GTAGCCCATTCCAAGAAAATGCCACCCATGCAAAAGGAGAGGTTAATATATTAGGTGCATTGCTATTTATGAG
TGTTATTGATAACCATAGCTTCGATGCACTTCATAGAGCAGGAATCTCAACAGGAATTCACTCAAGATTGACTT
TTGAAACCACTGCAGGAGAGAGTGATTCTCTTGTTCAGAGTTTGTAGCCAATCAGAAAGCAAAAGTGGATT
TGGTGTGGTTCTGGAAGTGAACCTACTCTATCTAAAGTCCTTTACAAGGCTAATGTGGGAGATTGGATGTCT
GCCACCGTAGTTCCTGTTGGAGCTCGATGTAGGGATGTTGCTGTAATTGCAAATCCTTCTCATCAGGAAAAGG
GTCTTACTGATGCTTCATCTTTTGGACCACCTCTTTTGTATCAGCCTAATGGTGGTGCCGTAGGGTTAACAGTG
AGAAAATCCAACCTCACTGCTTCTTTAGCTCAATTTATTTCTA

>trans_s_3211 NM_102006|Arabidopsis thaliana zinc finger (CCCH-type) family protein
(AT1G21570) mRNA, complete cds

AGTGCCCTTATATTCACGACACTTCCAAGATTGCAGTCTGCACAAAATTTCTCAACGGTTTATGTTCTAACGCAA
GCTGCAAAATTGACTCATAAGGTGATTCCAGAAAGGATGCCTGATTGTTTCATACTTTCTACAGGGTTTATGCAGC
AGCAAAAATTGTGCTTATAGACATGTAAATGTAACTCAAAGGTTCTACTTGCGAGGCTTTCCTTAGGGGGCTA
TTGTGCTCTGGGAAACGAGTGCCGTAAGAAGCACAGTTATGTGTGCCCTTGTGGAAGCAACAGGAACATG
CCCGGATAGATCAACATGCAAACCTCACCATCCTAAACAACAACTAAAGGAAGGAAAAGAAAGCGATTGGA
AGGGAGGAATAACGATCAAGGACGCTACTTTGGTTCTACAAATCAGGATGTTTCTAGATCTAGATTGGTGGTG
AGTGAGAAGCAGCTTCTGTAAATCGAGTGACCTTTTCTTGAGGATCTGACAGATTATATCAGCCTTGATGT
CGGCAGTGATGAAGATATTGAAGAAAGCCATGACTCGACAAGCCAGACTACGTCCTTTGTCAAGGTTACCTC
TCTGAGTTACTGTTAGAAAATCCCGACGAGCTAATCAAACAGTTCGGGTAATGAATGAGAATTTGGCTGTGC
AATAGTTGGCAAACCTGAGTTGCTTCTCCTCGTTGGGAGCAAGGTTTTGTCCAATCTCCACCATTAAAGG
TTTAACAGAATCACAGTTTAGTTTAGTTTAGTTAGTTAGTTTTTTCTCTTCTTTGTTAGTTTAGGTTTT
TAGTTCAGCTTCTTCTAGTTGCAGAAATCTGGATTAA

>trans_s_3212 NM_121303|Arabidopsis thaliana ATGSL12 (glucan synthase-like 12); 1,3-beta-
glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATGSL12) mRNA, complete cds

AACTTGCTGCAAGAGTTTCTTAAAAAGCATGAGGGTGTTAGATACCCCTCTATTCTTGGACTTCGAGAGCATAT
ATTTACTGGAAGTGTTTCATCGCTTGCTTGGTTCATGTCTAATCAAGAACTAGTTTTGTTACCATTGGTCAGA
GACTTCTAGCCAACCTCTGAAAGTTCGTTTCCACTATGGACATCCAGACGTGTTGATAGGCTCTTCCACCTA
ACTAGAGGGGGCTTCAGTAAAGCTTCAAAGGTTATCAATTTGAGTGAAGACATATTTGCTGGTTTCAATTCAA
CTCTCCGTGAAGGGAATGTCACTCATCATGAGTACATAACAAGTTGGAAAAGGGACATGTGGGTCTTAATCAA
TTTCAATGTTTGAAGCCAAAATAGCAAATGGGAATGGGGAACAGACATTAAGTCGTGATATATACCGTCTTGG
ACATCGATTTGACTTCTTCCGAATGTTATCTTGTTATTTACAACATTGGGTTCTATTTAGTACTCTGATAACT
GTCCTCACAGTATATGTGTTCTTTATGGTCGTCTTTATCTTGTTCTTAGTGGAAGTTGAAAAGGTTTGGAGCACT
CAACCAGCAATTCGAGACAATAAACCTCTGCAAGTGGCCCTTGCTTCTCAATCTTTGTCCAAATTGGATTCTTG
ATGGCCTCGCCTATGCTGATGGAGATTGGTTTGGAAAGGGGACTCCGCACTGCATTGAGTGAATTCGTATTGA
TGCAATTACAATTAGCTCCTGTCTTTTTACTTTCTCTTGGGACAAAGACCCACTATTATGGCAGGACTTTAC
TTCACGGAGGTGCCAAATACAGGCCTACAGGTC

>trans_s_3213 BT026416|Arabidopsis thaliana At3g27880 mRNA, complete cds

ATCTTCATCACCAACTCATCGCCATGTCTCTCAACTTCATATCCAACAAGATGATTTGGAATGTGTCCCAGCT
TCAACACTTACTCCACCGGATCAACAACCTCTGACGCCGCCCTAAGAGCCCGTGCCTTCTTTCTTCGATTTC
ATCCTCCCCACACCCCAACAAATCAAACCTCCATGATCAGGAACAATATGACGACGATGATTTGGAATTCGTC
TCCCTTCAGCCACCTCCCGGTTTAAACCCCTCCCGCTTTCCGCTTTTCAATTCCGATCTTCTGTTTGATGAACCTC
GAGTTGAAACACCGGAAATCGACGGTCGAGATTCACCAATCGTGCAGCCGATTGGAATTCCTTTAGAGAAGCT

>trans_s_3214 NM_001059413|Oryza sativa Japonica Group Os04g0441900 (Os04g0441900)
mRNA, partial cds

>trans_s_3215 NM_001058308|Oryza sativa Japonica Group Os03g0827700 (Os03g0827700)
mRNA, partial cds

>trans s 3216 AF307336|Petunia x hybrida ribosomal protein (PETRP) mRNA, complete cds

TTCTTCTCGCAGGAGGGTCTCAAGTTTTGTAGAGAATTAGCATCCGCCGCCATGGTTAAGTATTCAAGGGAGC
CGGATAACCCACCAAGTCTGCAAAGCGGAGGATCCGACCTCAGAGTCCATTTTAAGAATACACGTGAGAC
TGCTCATGCCCTAAGAAAGTTGCCCTTGGCCAAAGCAAAGAGATACTTAGAGGACGTTCTTGCCACAAGCAG
GCTATACCATTCCGACGTTTTGTGGAGGTGTTGGACGAAGTCTCAGGCCAAAAATAGGCATTCAAATGGAC
AAGGACGCTGGCCTGTAAATCTGCGAAATTTATTCTAGATCTTCTTAAGAATGCTGAGAGTAATGCCGAAGT

GAAAGGACTGGATGTTGATTCCCTCATCGTATCCCACATTCAGGTGAACCAAGCTCAAAAGCAAAGGCGTCGT
ACATACCGTGCTCACGGAAGAATTAACCCCTACATGTCGTCTCCATGCCACATCGAGCTTATTTTGTGAGAAAA
GGAAGAACCTGTCAAGAAAGAGCCTGAGACCCAATTGGCAACGAGTAAATCCAAGAAATCGCAAGCCCTCCG
CAGTGGTGCTTCGTCTTGATCTATATTATTGCTGCACTAAGTGTTCTTTTTTCTTTTAAAAAACAGAGGTTCT
GTTTCTTTGATCATTATAGAATCCTGCTCAGAATCCATTGCCCCCACTTTGTAGTTTACGAAATCTCGTCGATC
ATGTTTTATTTATTAGGAATCATCTCCCAAATTTGGATTTCGTTTCTTTAAGCAGAGTTTATACATCGAGACT
TTCTTTCACCTCTCCCTCTGTTGGTTCACGTTTGCTT

>trans_s_3217 NM_115281|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L17 family protein (AT3G54210)
mRNA, complete cds

ACGACCTAACTATTTCTTATCCTGTTATCCATACACGGACACCCAAACAATGGCAATGGCGATTACAACGGCAA
CAGCAAATGGCCGATGGAGCTTTACAACGTTGAGGTCAGCGCTGCCTTCAGTGGGATCGGAAAATTGTACTC
GCACTCGCGTTAGCTTCCCGTTGTCCAATGCTCGAGTCAGTCGAGAACCTGCAGCAAACCAATCGCCTCCTTT
TCGGGTCTATGCCCCTTAAACCCCTTATTTCTACTGGATCAGCAGATTACAACGACTTTGAACATAACTTCAAA
ATTGTTGATAATGGTAGCCGAGTTTTTGCCATGAGACATGGCAAGCGGGTACCTAAGCTAAATAGGCCTCCTG
ACCAACGACGTGCACTATTGCGAGGGCTCACCAACCACTCCTTAAGCATGGTCGGATCAAAACCACCAGAAC
AAGAGCAAGTGCTATGCGTAAGTATGTTGACAAAATGATTACATTAGCAAAGGATGGTTCCTTGCATAAAAG
GAGACAAGCTTTAGGCTTCATCTACGAAAAGCAGATTGTTTCATGCATTATTTGCAGAAGTCCAAGATAGGTAT
GGGGAGAGAAACGGTGGATATACCAGAATTATAAGAACTCTGCCTAGGCGAGGGGACAATGCGCCTATGGC
ATACATTGAACCTGTCTGAATATTGGCCAGTTATTTTTGTATCGGCGAGTCAACCAATTCTAGTAACGGAATG
AAGATTTAATCCTTTTCTAGAGTCTGCCTCATGTATGATTATAAACCTTGTATTAATATTTGCATACATATACATA
CATGATTGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3218 XM_002892983|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F14D16.29, mRNA

ATTGCTTTAGGTTGAAGGGGGTTTGGTGAAGAACAAAAGAAGCAAAAACAATGGCTACCGCATCACAAATTG
TAGCGAAATTGAATCTGAAGCCACATCCCGAAGGCGGTTTTTACTCTGAAACCTTCAGGGACTACTCCGTACAT
CTCTCAAATCTCAACTCCCATCCGAGTACAAAGTTGATCGAGAGGTCAGTACTTGTATTTACTTTTTGATGCCG
TCTGGATGTGTTTCTGCTCTTCATCGTATACCATGTGCTGAGACTTGGCATTTTTACTTGGGAGAACCTCTCACG
GTTCTAGAGTTGAATGAAAAGGATGGTCGAGTCAAATTGACTTGTCTTGGGTCTGATCTCATAGGAGATAATC
AATTACCTCAGTATACTGTGCCTCCTAATGTTTGGTTTGGTGCTTTTCCAACCAAGATTCAATATTTCTGCCG
ATGGAACCTCTGACCAAAGCTGCACCAAGGGACTTGAGAATCACTACTCGCTTGTGGGCTGCAGCTGTGCACCT
GCTTTCAGTTTGAGGACTTTGAGTTAGCAAAACGCTCTGATCTTGTTTCACGTTTTCCCGATAGTGAAGCATT
GTCTCGTTGCTGACACCAGGTGCCTGATTCAACTGAAGAATACCGTACCCTTTTTCTGGAAATCATAGCTTAGA
TTCTGATTATGGGGAGATGTGGATTGTATGATGTGATTTTGGTCTCTGTTTATTTAATATCACAGTGTAGTTG
AAGCTTTCGTCAGTGGATTTTGTCTATTGGAACCTCTTATGGCTTACTGAAAATAATAATAATGAATAAGGC
TCTTTTTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3219 NM_116147|Arabidopsis thaliana invertase/pectin methylesterase inhibitor family
protein (AT3G62820) mRNA, complete cds

ACATTAATCTCAATCTCGTTCACAAATCAACCCACTATATACTGATTTTCATCGAAATTTATCTTCTATCCCCACAT
ACCTTTTTCACTTCTTTAGACATTTTCATCAACATGATGCGTCCACCCAGTACAAGAGCATCAATCGCAGCCCT
TTTGGCCCTCATCTCCATTCTCCCATGGCTAACCCACTCCGCCAAAACGAGCTATGTCCAAGAAGCCTGCAGGG
TAACACTACACCAAGATCTCTGCATTCAATCCCTGTCGCCATTTTCAAGCACTGCCAAGCGCAGCCCCACAAAA
TGGGCTCGAGCGGGGGTGTGCGTGACGATAACAGAGGCCAAAAAAGTGGCAGCACTCTGGGGAGGTTGA

>trans_s_3220 AJ010460|Arabidopsis thaliana mRNA for DEAD box RNA helicase, RH8

>trans_s_3221 NM_101280|Arabidopsis thaliana oxygen evolving enhancer 3 (PsbQ) family protein (AT1G14150) mRNA, complete cds

>trans_s_3222 AB189069|*Silene latifolia* chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF, atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

CTCCGATACAACCTCTCCGTTGTACTGCGCTCTCCAAGTGTGCTTGTTCCCCCTTCTTCCTTACCATGGCAAGTC
TTTGTGAAATAACTCCGATGAGAAGAAAAAGAAGGCGTTAAGAAACCCTCCTGCCCCAACCTAGACACTCT
AAGATCCTTTTTCAAATCTCCTGGTCCCTGCGGAAGAAAGGAAAAAGAATTCACGTTCTTCCTTTCGCTTTCG
GGAAGGGAGGATTAAGAAAATCCTATTGATTGCAGCTTCTCCAGACCTCCGGGGGGGAGTACTCCCCCTT
AGATCCGTTGCGCTAGGGAGGGTCACCCAGAATGAAAGGGGGCGATCTCGTAGTTCCTGGTCTGTGAAGATA

CGTTGTTAGGTGCTCCGTTTTATTTCCATTGAGGCCGAACCTAAACCTGTGCTCGAGAGATAGCTGTCCATA
TACTGATAAGGGATGTATGGATTCTCGAGAAGAGAGGAGCCGAGGTGGTCCCCCGGACCGCCCGGATCCC
ACGAGTGAATAGAAAGTTGGATCTACATTGGATCTCACCTGAATCGCCCCATCTATCCTCCTGAGGAGAAGTT
TGGTTTCAAACCCCGGTTCAAACAGGAGCACGTACATATGTAAGTGCGTGTCTAATCGTGCCAATATAATATC
AGCCCAGGTATTAATTACACGACCTGACTATCAACTACAGATTGGTTGAAATTGAAACCATTTAAGTTGAAAG
CCATAGTGCCAATACCTAAAGCGGTGAACCAGATACCTACTACAGGCCAAGCAGCTAGGAAGAAATGTAAAG
AACGAGAGTTGTTGAAACTAGCATATTGGAAGATCAATCGG

>trans_s_3223 XM_002307977|Populus trichocarpa esterase d, s-formylglutathione hydrolase,
mRNA

AACAAGTGTCACTCTATTGCTCTTCCATTTCCAACCTCAAGCCTCACTCGAACGACGATCTCCCAGTATCAATCAT
CTCTCCTTTCCATCCCCAACATTTTTCTTCGAACACTCTGAAAATGGACCTCAAGCCAACCGAAATCACCTGCTC
CAAGATGTTTCGAGGATACAACCGGAGATACCGCCATTACAGCCCAACTCTTGGCTGCTCCATGACCTTCTAC
ATTTACTTCCCTCCATCTCCTCTCCCGTCCCATAAATTTCCAGTACTGTACTGGCTCTCTGGTCTTACGTGTTCCG
ATGAGAATTTTATAATCAAAGCAGGAGCACAACGCACTGCTTCCAGTGAAGGTATTGCTTTAATTGCACCTGA
TACATCTCCAAGAGGCCTGAATGTGCAAGGAGAGTCGGACAGTTGGGATTTTGGTGTCCGGTGTGGATTTTAT
CTCAATGCTACACAAGAGAAATGGAAAAATTGGCGTATGTATGATTATGTTGTCAAGGAACTACCTAACTTC
TGAGTGAGAACTTTCAGCAGCTTGATACATCGCGAGCATCTACATTTGGTCACTCTATGGGCGGGCATGGTGC
TCTAACGATCTACCTGAAAACTTGGACAAATATAAGGTATTTGTTGATATAATCTTGTTAGAATTAGTGGGCT
TGATGTGTGTTGAAAGCTCAAGGATTCTTTTGTATTTTATGTAACCCTAATTATTCTTTCTTTTAACTAAGGA
TCTTGTTGCCTACTAATCTTCCCCCTTTTATTATTTGTTACATAAGAAAATATCAAGAAAACCTCTCTCCCATGG
TTTTTCTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3224 EU561016|Hieracium pilosella glycosyltransferase UGT72B11 mRNA, complete cds

AATTCTCATTTTCAATCTCACTTTCTTCTCTCTACTTGTCTTTACTACATCTTCAATCATCAACCATGGAAGCT
CACCCCCCGATCCCTCATTTGGCCATTTTACCAAGCCCTGGAATGGGCCATTTGATCCCATTATCGAATTCGCC
AAACGCCTCCTCTCCCACCATCGTTTAACTTCACTTTCATCATCGCTTCCGATGGTCTCCGTCTCAGCCTCAAC
AAGCCCTCCTCAATTCCTTCTTCCGGTATCGATCATCTCTTCTTCTCCTCCACTCAGCTTCGACGATCTCCCACC
AGATTCCAAAATTGAAACTATCATCACTCTAACCATTTCTCGCTCTCTCCCATCCCTAAGAAACGTAATCAAATC
CATGGTTCCTCAATCCAACCTCGTCGGCTTGTTGTCGATCTTTTCGGCACCGATGCCTTCGATGTAGCCAGAG
AGTTCAACATTTCTCTTACATATTCTTCCCCTCCACTGCCATGTTACTCTCTTTGCTCTGTTTTTACCCAACTC
GATGAATCTGTCGTCGGGGAGTTCGCGACCATCTGAACCAATCAAAATCCCGGGATGTATTGCAATTGAAG
GCAAGGATCTATTGGACCCAGTTCAAGATAGGAAGAACGAAGCCTATAAATGGACGCTCCACAATGCAAAGA
GGTATGCTTTAGCAGATGGGATTTTTCTTAACAGCTTCCCTGAATTAGAGCCTGGAGCTATAAAGTATCTGCGA
GAAGAAGAACCAGGGAAGCCCCTCGTTTACCCAATTGGACCGTTGGTGAAAATCGACGCAGATGAGAAGGA
AGAAAGGGCAGAGTGTTTGAAATGGCT

>trans_s_3225 NM_001058666|Oryza sativa Japonica Group Os04g0165300 (Os04g0165300)
mRNA, complete cds

ACTCCTAATCTCTTCTCTATTTCTGACGCAATTTTCATCCTTATCGTCACCTCGCCGTCGTTGTTGGCAATTTCCG
GTTGCCTATTCTATTCTTGAATTCGGTGAGTTCGGAATACGCAGGGATTCTCCTAGAATGGCAGATAAGGATG
GAGAAGAGAATAACTCTCGTGGAACGAATGGGAAGTTGTTTCACTCACTGCATCGGCGTATGAAGCTGCTC
CAATGTGAAGGAAGATGAGTCGCCTGATGAAAATAACAGCAATTTGTACGAAGCAGAACTTCTCGTGCTCT
TTTTATGTCCAGGCACTTTGTATTTCCACCGAGTCAGCACGAGAATTTGCCATTGGAACCTGATAAGAGTGAGA

TTCATGACGATCAAGGAGGGAAGGAGAATGTGGAATCTGATTCTGCTGTTATAGATGGCGGAAAATCTAGTA
GAAAGAATGAAGATAGTTTGAATTTGGAAGGGTTGGTTGAGACAGATGAGTTTACAGGGATTGGTAAACTA
TGGAGAAAAGGTAGCGAGCTGTCTTTTCATGGTGATGATTTTAGTGAAAATACAACCATACCAGATTTGAATCT
GGTTGACAAGGAGTTGGATCCCTTCGGTGCTCCTACCTATAGTTCTTTTCATGGTGAAACGGATCTTAGTTCCA
CAACCTTTGATGAAATCCCTCCATCGGAATCTAACGATCAAGTCTCAAGTCCAAAAAGCTTAGAACTCCCAGG
CTTGATAACAAAAGCAATAAGTCCAGTCTTCCCTGTGGTGCGTGGTGGAAGAGGAGAGCTGCTAATTTATACT
GTCATGCAAAAAGAAGCAAAGGCATTTTGGTCCATTTTCATT

>trans_s_3226 AY501392|Populus tomentosa MADS box transcription factor (MADS1) mRNA,
complete cds

AACACGTCATAGTCTAATCCTCATTTTTGAACCCTTCCTCTCCTTCTCATTCTTCTCCTCCCATATCATAAGGCA
AAATTGAGAAATGGCGAGGGAGAAAATCAAGATAAAGAAGATTGATAACCTAACGGCGAGGCAGGTCACGT
TCTCTAAGCGACGCGGAGGGCTTATGAAGAAGGCCGAGGAGCTCTCAGTCCTGTGCGACGCCGAAGTTGCGC
TCCTCGTCTTCTCTGCCACCGGAAAGTTCTTTGAGTATTCTAGCTCCAGCATTAAAGATGTTATAGCTAGATATA
ATTTGCACTCTAGTAACCTTGGAAGTTGGAATATCCATCCATCGGGTTGCAGGCTGAAGATAGCAACCACGT
CCGATTGAATAAGGAAGTTGAAGAAATGAGCCAACAACCTTAGGCAGATGAGGGGAGAGGATCTTCAAGGAT
TGAACCTAGAAGATTTGAAGCAATTGGAAGAAAGCTTGAAGTTGGTCTCACACGAGTTCTTACACCAAGGA
AAAGAAGATTATGAGTGAAATTGATGCGCTTGAGCTTAAGGGAGCGAGGCTGATGGAAGAAAATAAGATGC
TTAAACAGCAGATGTTAAGGTTGTCGAATGAGAGATTAATGGCTGTGCTTGTGGATTCTCCGACGTTCTGTGT
AGTGGTGGAAGAAGGAGTTTCGTCGGAATCCGCCGCCAACGTCTATAGCTGCAACAGCGGCCCTCTGCCGA
CGACGACAGCTCCGACACCTCTCTCAAATTAGGGCCTCCTGTCCAAATTGAGGCAGAAATACTTTTCGAGGG
ATGAAGAAGATGCAAAATAGTAAAAGAATAAATGCCACAAATGAAA

>trans_s_3227 AJ250769|Pisum sativum partial mRNA for cytosolic phosphoglucumutase (pgm
gene)

ATCTCCCTTCAATTCCTCCACTTTTCTTCTCATCAACCCATGGCTCGCTTCAATGTCACCAAGAAGCTCACATCC
CCCATCGATGGCCAGAAACCCGGTACTTCCGGCCTCCGCAAGAAGGTTAAAGTATTCATTCAACCGAACTACT
TGGAGAATTTTGTTCATCAACATTTAATGCATTGACTACTGAAAAAGTCAGAGGGGGCTACACTTGTGTATCT
GGAGATGGACGCTATTATTCAAAGGATGCTATTCAGATAATAATTAAGATGGCTGCGGCCAAATGGGGTACGC
CGTATTTGGGTTGGTCAAATGGTTTGCTTCAACCCCTGCTGTGTCTGCTGTCATACGTGAAAGAGTTGGTGT
TGATGGATCCCGAGCATCAGGAGCATTTATTTTGAAGTCAAGTCACAATCCAGGAGGTCTCATGAGGATTTT
GGGATTAAATACAACATGGAAGATGGCGGCCCTGCACCAGAAGGAATTACTGATAAGATCTATGAAAACACA
AAAACCATAAAGGAGTACCTAATTGCTGAAGATCTACCTAACGTGGATATTTCCGCAATAGGTGTTTCTAGCTT
TGGTGGACCTGAAGGACAATTTGATGTTGAGGTTTTTGATTGAGTACTGACTACGTGAAGTTGATGAAGTCA
ATATTTGATTTTGAATCTATCCGCAAGCTTCTAACCTCTCCCAAATTTTCGTTCTGTTATGATGCTCTACATGGTG
TTGCTGGAGCTTATGCAAAACGTATTTTCGTGAAAGAGCTTGGTGACAAGAAAGCTCATTACTGAACTGCGT
ACCTAANGAGGACTTTGGAAGAGGTCATCCTGACCCC

>trans_s_3228 BT024591|Arabidopsis thaliana At1g64355 mRNA, complete cds

AACCCATCTCTGTTCTCTTCGTCAAGCTCCAACCTTTCCATTTCGTCTCAACTTTTCTGAGCTCTTCTCCTTCTTCTT
TCCCCAATGTTGGAGCAAACCCATACAGGATTTCAAGTGGAGCCTCACCTCTCAGAAACAGAAGCTTCAAAG
TAAAAGAAATGGGATTATCTGTGGGGCAATTTTACCTGTGGATCCATGGGCGCCCAACATCGATTCTCAGAGC
ATAGCCTCCAGATTTTGCCTTTTCCCTCTTTCCTTACATTGGTTTCTGTACTTCATACCAAATCAAAGACCG
CTCCAAGCTCACTCTCTTCGGTTTCTATTTCTTGCTTGCCTTCGTGGGTGCTACCATTCTGCTGGAATATATGC

AAAGGTTCAATTATGGAACCTCCTTGCTAATGTTGATTGGTTACATGGAGGGGCTGAATCACTTCTCACTCTGA
CAAATCTTTTCATTGTGTTGGGTTTGAGAGGAGCTCTTAGGAAGTATGGGGAGGCTGAAAACACTACATCCTC
ACCTGTTCTAGAGTTGGAAAAAGAGAAGGCTGTTGTAGATAAATAGTTGTATGTTCCAAACACTTTAGTTGAA
ATATTTGTTTCTATGGGCTTTGTGCCCTGTAAATATAGGACGAAAAATCAAGCAACGTTGAAAATGTGCATTCT
CTTTTACTTTCTCTCTCTACTGTTATATAAACTGCCCTTTGGAGTTGTATGAACATCACTGATCAACCATTAT
AATTGTGATTCTGTCTTGGTTTTGCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAC
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3229 Y18529|Vigna radiata mRNA for alpha-1,3-fucosyltransferase (FucT c3)

GAAGCGCTACAAGTTCAGCTTGGCATTGAGAATTCCAATGAAGAAGATTATGTCACGGAAAAAGTTTTTCAA
TCTCTTGTGCAGGTATGAGGTTACATCTATTTCTCTGATTCATGCTGTTACCAACATCTGTAAGACACGTTGA
AACGAAAGATAAGTTTTGTTCAAAGTGTCCATACTAACTGTAGTTGTCCGTTTTGCCGGTTTTGTTTTGGCTT
GCTCTGCACCTCTAAAGCTAGTTACCATCTGTTTCTTTAGACTCTTCACTTCAGTACATATTTCTACCATAACATA
ATACTTCTAGAAGATAACTTTGAGGAATTCAGTAATGGATTGGGTTGCAAAGTTGGATATCTTGGAAAGTTA
AAGAACCCTCATAGTTTTCATGTTACATTGACTGTTTTGTAGAGTTTTCGTTAAGAACATCAATGCAATTATTG
TAGGAACCATTCCGGTGGTGGTGGTGCTCCAAACATCAAGGAGTTTGCTCCTTCTCCTGATTCATTTTTGCAT
ATCAAGGAGTTTTCTGATGTTGAGTCGATTGCCAAGTCCATGAAATACCTTGCTGAAAAATCCCAAATATACAA
TCAATCTCTAAGATGGAAGTATGATGGTCCATCCGAGTCTTTCAAGGCCCTTGTCGATATGGCAGCAGTGCAC
TCATCCTGCCGCCTTGCATCCATATGGCAACCGTCATCCACGAGAAAGAAGAAAACAGTCCCAGGTTCAAGA
AACGACCGTGCAAGTGTCTCGAGGCTCTGAAACCATGTATCATTTATACATAAGGGAGAGGGGGAGGTTTG
AAATGCAATCCATATTTTTGAGGTCAGGAAATT

>trans_s_3230 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

CAAGTGATGTTTGGGAGAGCTCTTATAAGTTCATAACCCTAGCCCATTCCCATTTTGGGCGGAACAGATCTACT
AATCTTTGATTCCAGTTAGTAAGAGGGATCTTGAAGTAAAGAAATAGATTCTAGAAGAGCCCCTAAAAAGGG
TATCCTGAGCAATTTCAATAATCGGGTTCATTGATATTCCTAGTATAGTAGATGCTATCACACATACAATCATA
TCAATTCGATGGAATTGTTTGATCTGCCCTCTCTAGAAGAGCGGTTGCGACGTGAGGGGTTATTTCTTGTTT
CGTCCAGTCATTAATAACTTGATTATTTATAGATAATAGTAGATAGAAACAACGCTCGTAAGTAGTCCTATTGA
AACCAAGAAATATAGGCCTGCCTGCCATCCACACCAGAATAAATAAAGTTTTCCGAAAAAACCTGCTAGTGGA
GGAAGACCTCCTAAGGATAAGAGACATAGGGCTAAAGAGAGAGCCAAAAGAGGATCTTTTATGTATAATCCT
GCATAATCTCGAATGTTATCAGTTCCGGTACGTAGACCAAATGATACAATGCAAGCAAAGTTCTAGATTCAT
GGCGATATAGAAGAGCATATAAGTTATCATGCTTGATAAGGTGGTAAACTCAGAGGTTGTTAATAAGGTTAT
TATACATATCCGATTTGACCGATGGACGAATACGCAAGCATACGTTTCATGCTTGTTGAGTAATAGCAATGA
GATTCCTCAATATCATGCTAAGAATAGCTAGGATTTCCAGAAGAAGATGCCATTCGTTTGATGAGAAATAAAA
AGGAATATCGAAAATTCGAGTGGCTAAAACTAAGATG

>trans_s_3231 AJ004899|Glycine max mRNA for rudimentary enhancer, partial

TTCACGTTTCTCCATGGTAATTTACACCCTTTTATCCAACCTTTTCTTTCTTTACTTTTCTTTTATACTTCT
TTCAATCGATTAAGCTTCAATCTCACATTCCTGGCACGAATTTGGCGTCTCCACTTATTTGAATCTTATTAGGGT
TTCCTTACCAATCTGAAACGCGTCCCAATATTTGCGATTTTAAAGTATTCATCATCTCACTATGTTTGTTCTACTC
AATGAACTTATCAAATAGTATCTGCTAACAGGCACACCATCTTCTTATGCAAACCTTACACAAACAGGGCAACT
AGGACTTTTATGGATTACGATTCAATAAGTCAAGCTATGGATGGTATATGTGGGCTGTATGAAAGGAAGCTTA
AGGACTTAAATCCTGCCATCAGAAATATCACTTATGATATTGCTGACCTCTACAATTTTATTGATGGCCTTGCTG
ATATGAGCGCTCTAGTCTTGAACATTCAATTCAGGCTTATTTGCCTTATGATAGGCAGTGGATTAAACAAAGG

ATATTTCAACATCTGAAGAACTGGCACATTGAGACAATTATATATGAAGGCGTTGCATCTGTTCTCAGTAACA
TTATAAACTTCTGCATCATACTATCAAGTTAAAGATGCTCTTGTATGAAGGTAGAAAATTTATCCCGTCTTCTCT
GCCCCGCTTATGATCTGTGGGGTTCAGTTATACATGAATCTGAACCTTTCTTGTGTGCATCTGTGTCTAAATTGT
GTTTTTCCTATCCTTACAGAAAATATTTGTTATAATCTACAAGTTATTGCCTGTTGGCTTTTGCCAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3232 NM_001058335|Oryza sativa Japonica Group Os03g0832300 (Os03g0832300)
mRNA, complete cds

AGGTAAGGGTTTTGCTGTTCTTTGCTCATCGCCGTCGCCGATTTCTTCGATTCTCAACAGAGACGCCCCAAAT
TCTTCGATTCTCACTGCAAAATCACCAAACTACTGTTGCGTTGTTGTTTTACAGAAAATGGAAGCTGGAGAT
GATGGAATTGAGAGGCTGGTTGATTGCAAGGATATGCAACAACAGAGCAAAGCCTTCGATAAGCTCACTGAT
CGGGTTGAAGACCGTCAACTCGATTCCACTCGTGTTGAGGAGGCAATGGCATCTATTGCTGCATCGGCTGAAG
CCGATTGGAACGCTATGATGTTGAGAGAGAAAGAGCTTGCTGCTGTCAAGATAAATGCGGCTGACGTCGACA
TAATCGCAAATGAACTCGAGTTGGACAAGAAGTTGCCGAAAGAACGTTGCGAGAGCACAAAGGCGACGCT
GTTGCTGCTATACGGTATTTACTACATTAAGCGAGTCTCTAACTTTGAAGAGACCCAAAGCCTTTTGTAACCTC
AGATTGTATGGAATGTACCCTTTTTATTTTGCTGGAAGTTCTTCTTTCTTTTCCGCTTCGTTTGTA
AACTTGAACACTATTTCTTATCCTGACCGTACACACATCTTCTGTTGAAGGAGGGGATTCCATCAAAGCCAT
TTGATGAGGGCCAAATGATCTTTTGTTAGGTAGAAGTGTTGGAAAACGTCTCTATGTGTTACGGGATTTGTA
GGGTACCCTCTAAATGGTTCTTCGTAGATGGAAAACAATACATAGGACTCTAAAAATTATGTTATGAATTTT
TTATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3233 FN820438|Solanum lycopersicum mRNA for CSN5 protein, cultivar Money maker

TTTTCTCAGTACTGTGGATCGATCGGGGAATTCCACTCGCTTCTCTTCAGAACTGCCATTGAAGAAACCC
CAATTTTCATCAACAGAAATCAGTAAAAAGGTATCGAAAAATTTGAAATCAGACGAGAATTGGTAGCATTTTTTC
TTCATATTCTTCTCGTTCGTTCCATTTCAAGACGAATGGAGCCGTTCCATCATCCTCACAAATAGCTCAGAA
AACCTGGGAGCTTGAGAACAATATCATCTCCGTCGATACTCCTCCGACCACTTCCAAAGCTTCAGATTCTGCTT
CCGATGCGATATTCTATTACGATGAGGCTGCACAAGCAAAGTTTCAGCAGGAAAAGCCGTGGCAGAATGATC
CTCATTACTTCAAGCGTGTGAAGATCTCTGCCCTCGCGCTTCTTAAATGGTGGTTCATGCACGCTCCGGTGGA
ACTATAGAGGTCATGGGACTTATGCAGGGGAAGACCGATGGAGACGCTATTATCGTCATGGATGCCTTTGCTT
TGCCTGTTGAAGGTACCGAGACTAGGGTTAATGCTCAGGCTGATGCGTATGAGTATATGGTTGATTATCCCA
GACGAACAAGCAGGCGGGGAGGTTGGAGAAGCTTGTAGGATGGTACCATTCTCATCCAGGTTACGGATGCT
GGCTTTGCGGTATTGATGTTCCACACAGATGTTAAACCAACAATTTGAGGAGCCATTTTGGCTGTTGTGATA
GATCCTACAAGAACTGTTCTGCTGGAAAGGTTGAGATTGGGGCTTTCAGGACCTACCCGGAAGGATATAAG
CCACCAGATGAGCCTGGTTCTGAGTATCAAACCATCCCACT

>trans_s_3234 NM_126148|Arabidopsis thaliana BT4 (BTB AND TAZ DOMAIN PROTEIN 4); protein
binding / transcription regulator (BT4) mRNA, complete cds

CAACATTTTGAGATCACATATAAAATCCCAATTTCTCTCTCGAACCATCTCTCTCTCTCTCCACGTTCTGGGT
TTTCTCTACACGGCTATCGGCGGACGCCATTTTCTTTTCAATTTCTTTTCTTTACTCGGTTCCATCATCAACCGTTA
CGGAGGATATTTGGAAGGTTTTAGAGTTTTCGGAAGTAAATACATGGAGAATACAGAAAATATTTGCACGG
ATTTAATCCCAATCCAAGCCAAAGCAAACACCATCCCGTTGCCACCTCCATTGCCTAAATCTGCAATCACTAGTC
ATTTTCAAAGAGTCGGGTTTCAAGCGAATCCTTGAAAGGGGATATAGCTGCGTTTCCACTGCGACAAGAG
ACCTCTGGGACGGCCTCTTCGACGAAGCCTATGGAGCTGATGTTTATATTCATACGGATCATGGCGGCATTGT
ATATGCACATGCTTATATCCTTGGTATGACTTCTCCCGTGCTAAAAGGCATGTTAAAGCAATCCAAGAAGTCTG

GCAGGAAACGTTCAATATCGATCCATGGAGTTCCACCTGATGCTGTTAAAGTATTCATTAGATATCTGTACTCT
TGCAGATACGAGAAAGAAGAAATGGAGGAATTTGTTTTGCCTCTGCTGATGCTGTGCGCATGTTTATGTGGTTC
CCCAGTTGAAGAGAGAGTGCAGAGAGGCAACTGGGTCGTGGCTTGTTGACACTTGAAAATGTAGTTGATGTTT
TTCAACTTGCATTACTGTGTGATGCTCCCGTCTTAGCCTTCTTGCCATCGTATGATCCTAAAGAACTTCAAAG
CTGTTTCTTCATCCGAGGCATGGCAAGCAATGCA

>trans_s_3235 NM_001189359|Oryza sativa Japonica Group Os10g0575950 (Os10g0575950)
mRNA, complete cds

AATCGAATGAATACACCGTCCCCGGCCAATTCTTCCGCTTCCACCACGGCGGTTGCCGGAAGGTGTAGCACTA
ACGCCGCACTGTCGCTTGACGATTTTCGCTTTCCTCTAATTTAATTTCCGTACCAGAGCGCAAGGACGAGGCC
ATGACCGCTCTTAAATCTAATATAATGGCTGCACTGAATAAGGAGGTCAAATCCCTAGATGATGATAACTGGA
TGTTTGAAGGTCCTCGCTCCCGTATCAACCTTATGTCACGACAAGGTGGCGCTTTCCTCAAAAAGACACAAGA
GAAAAGAAGGTAATGGATCAGATTGATGAGAATGATCTTCATCTTGGAGAAATCTTGTGATTGTGCTGCGACA
ATAAGGTTTCATTTATTCAATCAAGTAATCAATTCCTCTTTTTTCAGTCTAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGATGT
AAAGAGTTTGCTAATAAATACTTGTCCAAATGAAACCTTGCAAACATAGAATTACGTGAAACACTTCTAACCTC
TTGTTTGAATTGACTTATCAAGTGCTTAAAAAAAAATTCCAAGCGAAGAAAATGTTTTTTAAGCACTTAAAAA
GTCAATCAAATAGATTATTAACATTGATGAAATGATTTAATTCATCCATCAAAAATATGGATCCAGTGCAGTTG
GCATCCCATAAATGGACGATAGTTCATAAAATATCTCATAGTAGGCTCGTGGAGATCTGTACCTTAATTGAAATT
TAATGGAAATCTTGTGGTATTTTGTAAAAA
AAAAACAAAAA

>trans_s_3236 X69378|M.crysalinum mRNA for ribosomal protein YL16

TCACGATGCCAAGCCCTAAGCTGCTGTCCAGCTGAGAAGCCGCCGAAGTTTTACCCTGCCGATGATGTGAAG
AAGCCCCTTGTTAACAAGCGCAAGGCCAAGCTCACGAAGCTCAGAGCTAGCATTACTCCTGGTACTGTGTTGA
TTATTCTTGCTGGGAGGTTCAAGGGGAAGAGAGTTGTGTTTTGAAACAGCTGCCATCCGGGTTGCTCCTGGT
TACTGGGCCTTTAAGATTAATGGTGTTCTCTGAGACGGGTGAATCAATCGTATGTGATTGCAACCTCCACCA
AAGTTGACATCTCTGGAGTGAACCTCGAAAAGTTTGACGACAAGTACTTCTCCAAGGAAGCCAGAAGAAGA
AGAAGAAGAGTGAAGGGGAATTTTCGAGGCAGAGAAAGAGGAGAAAAGTGCTCTCCAGCTGAGAAGAA
GGATGACCAGAAAGCCGTGGATACACCATGATAAAGTCTATTGAGGCGGTTCCGGAGTTGAAGGCATACTT
GGGAGCAAGATTTCTCTCAAGGCTGGAATGAAACCTCATGAGCTTGCTTTTAGATAAGGGATTGGTTCTTT
TTTCTTTTTCTTTTTAATTTTATTATCGTTTCTTACAAAAATTATCACTTGTTTTATGTTTCTGAACTT
GGTATGACTTGATGTAATTGCCTAGTCCCAAATTTGATTCTAAATAGAGATTCCATGTCTCGTAATTTCTTTT
TCCTTATGAAATTCTGTTTTCAGGTTCTAAAATTCATCAAAGTTTCAGGTTTTCGAATTTATTATGATACTTTT
GACTAGATGACAAAAA

>trans_s_3237 NM_118038|Arabidopsis thaliana integral membrane family protein (AT4G19185)
mRNA, complete cds

ATGCACAGCCAAACACCATCGACCAACATGACAGTCAACTGAGCGCCACCGTCGTCTTATCATTTTCTCTCTG
TTTCATCGTTCCATTCCATCTCTTTATAAGGAACTGGATCGGAATTTGATCCTGTCGTCGACGCCCCACCGCG
AGAGGGATGGCGGCAGCGGTGCGAGGAGTTACTGCTAACGGCGCCGTTTTATGATCGGCGGTGGAGATGT
GTCGAAGGCGCATGCGGCTATGGCTTTGGTGCAATTAATTAATGGAGGTTACCATGTTATAACCAAAGTTGCC
CTCAATGTTGGGATGAACAGCTCGTCTTTTGTTCGTTCCGTGACTTGTTGGCTCTCGCGATTCTTGCCCTGTC
GCTTATGTTGGGAGAAGTATAGGCGGATTCGTTTGGCCATGACTCGGGACCTTCTCATATCCTTCTTTGTTCTT
GGTTTAACTGGGATTTTGGTAACAGCTTCTCTTCTCGTTGGACTTGGCTACACTAACCCAACCTTATGCTGCT

GCCATACAGCCTGCCATTCCAGTTTTTACATTCTTTTTGCAGTTATGATGGGCACAGAGTCTGTAACTTACTC
AAACTGGAAGGACAGGCAAAGGTTGGAGGTACACTTGTGTGTCTCTGGTGCGATATTGATGGTTTTATTCC
GGGGTCCAGCTTTGGTTGGAACACTGAATCTGATTTTCATGTCACATAATGAAATAAGTGCAAGGGGCCAGCC
AGAGCCTGCTGGATGGTTAATGTCTAACTTTCTGGAGTATGGATTGGACCATTTTCATGTTGGGGTTTTATGCT
TGATAGGAAACTGTATGTGCATGGCTGCTTTCT

>trans_s_3238 X74421|S.tuberosum mRNA for glucose-6-phosphate dehydrogenase

ATTCATTTTCGAGTTTCGGCCACCTTTTGAAGAAGAAAGAATACGGACAGTAGAGCCATAGCTTAAGACATGGA
ATCTGGATCATGGCACGTTGAGAAAAGATCTTCTTAGAAATGACTCTTTACAGGAGAGGACAATGTGCCG
GAAACTGGCTGTCTCTCCATCGTTGTGCTTGGAGCATCTGGAGATCTTGCTAAAAAGAAAACCTTTTCCAGCTCT
CTTCCACCTTTTTGTCCAGGGATTCTTCAATCAAATGAAGTTCACATTTTTGGTTATGCGAGGTCAAAAATCTC
TGATGATGATCTAAGAAACCGCTTACGTGGATATCTTGTCCAAGGCAAACTACTGACTCAGAGCAGTTAGAA
GAAGTATCCAAGTTTCTGCAGTTGATCAAATATGTAAGTGGGTCATATGATTCTGCTGAGGGTTTTCAGAAGT
TGGATAAGGAAATTCAGAGCATGAGATTCCAGAAATAGTATAGAGGGATCGTCTCGCAGGCTGTTCTATTT
TGCACTTCTCCATCGGTATATCCATCTGTCTGCAAGATGATCAAGCATTATTGCATGAATAAATCTGATCTTGG
TGGATGGACCCGGATTGTTGTGGAGAAACGTTTGGCAAGGATTTGGCATCTGCAGAGAAGTTAAGTTCCCA
GATTGGAGAATTGTTTGTATGAACCACAAATTTATCGTATCGATCACTATCTGGGGAAAGGAATTGGTTCAAAA
TCTGTTGGTACTTCGTTTTGCAAACCGGTTTTTTTTGCCCCTTTGGAACCGTGACAACATTGCTAATGTACAGAT
CGTGTTCAAGGAGGATTTTGGTACTGACGGGCGTGGT

>trans_s_3239 NM_129396|Arabidopsis thaliana AGT3 (ALANINE:GLYOXYLATE
AMINOTRANSFERASE 3); alanine-glyoxylate transaminase/ catalytic/ pyridoxal phosphate binding /
transa> (AGT3) mRNA, complete cds

ACACTTCACCTCCTCTTTTTCTCTCTGCCTTCAAATTCAGCCACATTCCTTGTCAATTTCTTGAAGGCAGAAGAA
CGAAGAACGATCAAATATTCCTTTCAATGCAGAGCTTTATTCGCCGGAGGTTGTTTTCGCCGTCCAGCACCTCC
CTGTCCCGCTCCGTTACTTCTCTCAGCCCGCTCATAACCACCCTTCTCTTCACAATGACGTCCCTCTTCTTCTA
TTCCCCCTTCGATTACTCCCTCCCCCTTACAATGGCCCTTCCGCTGATCAGATCCTCTCAAGCGCAAGGAGT
TCCTCAACCCTGCAATATGTCACTACTACCGGAATCCGTTGCTTGTGGTAGATGGAAAGATGCAATACTTGTTT
GATGACAAAGGCCGTAGATATCTGGACGCTTTTGGCGGGATTGCGACGTTTGTCTGTGGACACTGTCATCCG
GATGTGGTGGAGGCCATTATCAACCAAAACCAAGCGTCTCCAACATTCCACTGTTCTCTATCTAAATCAGTCCAT
CTCTGATTTTGCCGAAGCTCTGGCTTCGAAGTTACCGGGAGATCTTAAGGTTGCTATTGCTTTTCTTCTCAAC
CGGAAGAAAGTAGTAATTAAGAAAAGAGAATAATATTAGCGCCGTCACTGTTTTCTTTGTTCTTGCAAGTA
GTGTATCATAATTGAGTTGTACTCGTTCCAATCACGTTTACCGTAAATCACATATGGTGGAAACCATCTACCA
AAATTAATTTGGGTTGTTTAAGATACAAACAAGCTTTTGGGTTGTCCCGTTACAGTTTGTAGTTCAATGAGC
GTTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3240 AB008847|Cucumis sativus Csf-2 mRNA, complete cds

TTGGCATTGCCTTTATCTCCCTAATCTTTCCTAAATATCACTTTATACTCCAAATTAATTAACCCACAAATTG
TCCCTGATGGGTAGATATGGAAAGCTGGAAATCGATGTCCCAATTAGAGCTCCCGCTTCAAAGTTTCATGAAA
TGTTTCACAAGAAACCTCATCACATCTCCAATGCCTCCAGTGACAAAATACACGGCGTCGACCTACATGAGGG
CGAATGGGGCCAAGTTGGCTCCATCATTTGCTGGAAATATTTTCACGAGGGTAAAGCTAGAAATAGCAAAGGA
GATCATTGAACACGTTGACGAAGAAAACAACCTCAATCACTTTCAAAGTAATTGAAGGAGACCTTACTGAACAC
TACAAGGATTTTAAGCTTACAATCCAATGTATTCCAAGGGTAAAGGAAGTGTGGTTTCATTGGATCTTAGAAT
ATGAGAAGTTGCACGACAAGATTCCAGATTCACATACTTTGCTGCAGTTTTGTGTTGAAGTCTCTAAAGACATC

>trans_s_3241 XM_002872689|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata inositol monophosphatase family protein, mRNA

>trans_s_3242 FJ943553|Minquartia guianensis microsatellite Min_62 sequence

>trans_s_3243 NM_106220|Arabidopsis thaliana chaperone protein dnaJ-related (AT1G75690)
mRNA, complete cds

AGCTTTGAAACAAACCACAGCTTCAAGTGTTCCTTTAGGAATTGGGACTGAGACTGACTTTCTTTTTCTTTCTG
ATTCGAGACTCTCACAAGCAAAGGAATCGAGTCCAAGGAATCCGAAATGACAGTAGCACCTTCGCTTTCCCG
CCTCCATTCTCCATTTCTGTATTGTCCTCTCAAGCCAACTTCATCTACCTCTTTATCAGTCACATTCTCTGGAAAT
CAACGATCGCCACCATCATATCCACGCATCAGAGCAATAGATCTTGACCAAAACACGGTGGTGGCACTTTCAG
TTGGGCTGGTGAGTGTTGCAGTTGGAATAGGTATTCCCGTCTTCTACGAAACCCAAATTGATAATGCTGCAA
GCGTGAAAATACTCAGCCCTGCTTTCCTGTAGTGGTTCAGGAGCACAGAGATGCAGATTTTGCATGGGAAC
GGCAATGTGACTGTAGAATTGGTGGAGATGAAAAAGAAGTCTCCCGGTGTATTAAGTGTGACGGTGTGGC

ACATTGACATGTACTACATGTCAGGGCTCTGGAATTCAACCTCGATACCTAGACCGCAGAGAATTTAAAGATG
ATGATTGAAGCCCTGCAGAACCAACCCGGCAACATCACCGATTCCGATTTTGTGTTAATTTGATGGCTTGAA
ATTGGCTTGAACCTTGTTAGTTCATTGAATCGAAGAGCTTGGTAACTTCTACCTAGCAATTCTTTTGGTAACT
TGCATTCTTCTAATGTATATCTGTGGTTAATAATACAAACAACATTGTAAAAGGAGAGAAGAATTAAGTACT
ATCCCGAGATTATGAATTCATCTCTATTCACTGT

>trans_s_3244 NM_125799|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related
(AT5G64030) mRNA, complete cds

TCGATAAAAGAGAAAAAAGAAGGGAATATGATTACAAAATTAATCATGTAATTAAATTAAGTAAATTTTAA
TTAATTAATTAATCCACCAGCTACAAATCTTCTTTCTCTTCTTCTTTTAAATCTCTCTCCCCCTTCATTTGCTCG
ACCATTACATTTTCATCCTCTCTGCCGGAGAAAAATGGAGGAATAGTTTCAATCCCCTTTTTCGTCTTTCTTTTCTA
GATCTGTTCTTTTCTAGGTACAACTCGTTAGGATTTAACGTTACAAACAGAAATGGCATTGGGGAAGTATTCG
AGAGTAGATAATCGAAGGTCTCTGTCGAGTTATTGCTCAACAGTGACCATTGTTGTATTGCTTGCTTTGTGTTT
GGTTGGAATATGGATGTTAACGTCATCATCTGTAGTTCGGGTTCAGAATATTGATGTGCCACAGGAGAACAAA
AATCCGGCAAAAAGTCAAGTGATCGAGACCAATGAGGGCAAACTCAGCCTTTTGAAGATAATCCAGGAGAT
TTGCCTGATGATGCAAGGAAAGGGGACGACAATGAAGGTTCTAATCAGCAGGAAAATCAGGAAGAGAAGCC
TGAAGAGAAACCCGAGGAGAAGCCAGAAGAGAAGCCGGAAGAGAAACCGGAAGAGAAGCCTGAAGAGAA
GCCTGAAGAGAAGCTTGAAGAGAAGCCCGAAGAACAGAATGAGGACAAGAACGGAGGGAATGAGGAACT
AAACCAGATGATGGAAGAACAACAGAAGATGGTGAATCAAAGGAGGAAAATGCAGAACAAAGGTTCTGAATC
TAAGTCCGAGGGTGGGACNATGGATCTGGTGGACAGTAGATCTG

>trans_s_3245 NM_147237|Arabidopsis thaliana glycosyl hydrolase family protein 17 (AT2G03505)
mRNA, complete cds

AATTTCTGTCAACAACAAAAAAGAACTCAAGAAATCCTTTCTTCACCATTTTCTTCT
CCTCTCTTGTTAGCTCGCACTTTCTTTCACTCCATCGAAATCTGAGTTCTCCTTTTTTTGTGGGGGTTCTTCAAG
GTTTTGAGCTTGAGTGTGATTCCAATCATGGCTGTTTTGTGTTCTTTGTGTTTTTCTTGCGCTAACTGGTCC
ATCTTGTCGAACTATTGCTTGTTAGAGATGGGGTGGTCAATCCGTCCTTCAAAAGGCACTGGACTATGCC
TGTGGAAATGGAGCTGACTGTGCTGCAATCCTCTCCAATGGCGCTTGTTCAGCCCAACACTGTAAAGATCA
CTGCAATTACGCTGTCAACAGTTATTTCCAGCGAAAGGGGCAAGTCCAAGGAAGCTGTGACTTCAACGGCGCC
GCCACGCCCAGCGTTACCCTCACTGCCTCTGTGCCCTCTGGTTGCGTCTATCCTTCTAGTCCAGCAATGCGGG
AACATCGCCAACGAACGGTGGAACTACGCCGACGAACGGTGGAACTACGCCGACGATGACACCAGGGACGC
CGTCGACGACGACTCCAGGAATGACACCGACGGTGTTCCGTAACGGAATAAGCCCGAGTGGGAGCGGCACC
GGGTCAACGACGGTAGCGGCGGCGTGGGTTTCAATGAAAATAGGAACTTGCTTTGGCAGTGGGGCTAACT
CTGTGGCTTTCCGTATTGTTCTCTGGGGATGATGAAGGTGGCGGATCGGATGGTGGATCTCGATGAATGGTT
GAGATCTTGCCACGTATGTAGGGGTTACTTTTGACGAT

>trans_s_3246 AY104587|Zea mays PCO104634 mRNA sequence

TCCCAGCATCAAATTTAGAGCTGAAAGCACAGTTGAAGAAGACATTGGAACCCCAAAACACATAATCCATGG
AAGCGCTGAGGAAGAAGCTGTTGACGTGCTTGATTATTCTCACAGTTTTCGTTTCAGGTTTCGAGAGGTTGGAC
CGGGGCAATCCATGGCCGAGTTATCTGCGATGTCTGCGGCGATTCTTCATTGGCCCAGAAGACCATGTTCTA
GAAGGTGCTGAAGTAGCTGTACTTTGCATTACAAGATCGGGAGAAGTTCTAAATTACCAAGCATTTACCAACT
CTAAGGGTAGATACACTGTTGCAGAGACCATGTCGGAAAGCGACCGTTGGGATGCATGCCTCGCTCGGCCAA
TCAGCAGTTTTCCATGAACACTGCACCCATCTTGGCGCCAATAGCTCGGGTGTGAAGTTCAGTTACAATCATCCA
TCTGGTCACTCTCATACTGTCAGGCCTTTTGTCTATCGACCGAGCAGCATGCCGACATACTGCATCTGACACAT

TCGAATAAGGGCAATAAGATTGTGAGGTTGGAAGTCAACAATTGAGTTTTCTTATGGAAAAAAAAATGTTTT
CTGCTATATGCTGGTTTTAATGTAAACCTCAGTCTGTTTATATCAACTTTTTGTTATGATGTACATCAATTAGAA
CCAATGTTGTGATAGATTTTTCAAAAGTATCATCTGGATGATATTGACTCTCATATCCATAATACAGTTTCCGTTT
TGTCCCTACATTTTTGTAAATTTCTGTTTTGTCCTTTGCTAATGCCCAAGGGATCCAACCTACGTTAATAGGTTGC
TACTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3247 XM_002893647|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT-IE, mRNA

AGAAGCATCGATGGAATCCTGTTTTGCTTCAACAAACAAATCGGTGGTAGACCTCTCATTACCAGCCAAGAA
GGCTGCACTTTTGAACAGAAGGTTGCAGAAGTGCAGCTAATTCATGATTAATATTGCACTGGATAGATGGGGT
CGTGCTAATAAACAAAGGTTCCATAGATTCCATTGGATATTGAGACATGTGCCAATAAGGTTGAAAGGCTATT
AGATGGCCTAAAATGGGATGACAAAGGTCTGGTAGTAGCTACAGCTCAAAATGTTGACACAGGAACTATATT
AATGCAAGGATTGCAAACAAGGAGGCTGTTTTGAAACTGCATCCGAACGCAGGGCTACGTTCTACAGCCG
ATCACGATCTCAACTGTGGACAAAGGGAGAGACCTCCAATAAATTCTATAAATATTTCATGACATATCCCTAGACT
GTGATCGTGATTCTATAATTTATCTTGGAAGCCTGTTGGGCCTGCTTGTCTACTGGAAGTGCACATGCTTT
TATACATCACTAGATGATTTGATAGATGATCCACAGGGTGGAAAGCATAAGTTGGCGTTGTCCACTTTGTACTC
ATTAGAGAATATAATCTCCCAACGCAAAGCAGAATTAGCATCTTCCAAACCGGCAAGCCCTCTTGGTCAAAAC
GTCCATTGCTTGACAATAAATTGCTCTGCTCTAAAATTCGGGAAGAAGCAGATGAATTGTGTCGAACAATGGA
AGAGAACGAGGGTAGGTCTCGTACGGCCTCGGAAGCAGCAGATGTGGTGTACCATATCCTGGTTTCTCTAGC
AGTTCAAGAGGTAAAGTTTGAGGAGGTTCTTGAACATTTGC

>trans_s_3248 HM122671|Malus x domestica NAC domain class transcription factor (NAC8) mRNA,
complete cds

AGTTGAAAGTATGGATGCTGGAAGTGAATTCAGAGAATCAGTCGCCGGCCAAGAAGTCTGCAACAGCCGAA
TGAGTTTTCTACATTTAGGGGACTGCACCTAGAAGACTACGACTGCAAAGCAAACCTTGAGCGCCATCCTCAT
GCTCTAGCAATGTGTATAGTGAGAGTGGTGGATCGTGGGATAATGACCAACCATCAATCTCAAGCAAGGTGA
AAAAAGCTGCAGAAAACAAGACTACTGGTGGCAATTGTGCCAGTGTGGTGGTGTGGCTGTGCCACGG
TTGACGTTGTGAAACAGTCCCAGATGACACCTAATGCAGAGTCGGGCGTGAGTAGTAGTAAAGCTTCCCATG
AAGTGAGTGCGAAGTCAGTGGCTAGCTATAGCTCAAAGATCGACTTCTTAACGGGCAAAAGAAGATTAGTGA
CGGCGCTGCCACCTTCAATCCTTTATACGTTTCGGTAGTTAGGCTTGTAGTTGTCGCATTATCCATAATTTTAA
TTAGCATTTGGAAGTGTGTAACCGTGAGCAGCGTGGGTACTTTGTGTCTCCCTTCTGTTAGCCTCCATAGGTT
TTTAGTACCCTTCATGGGATTGGGGTTACAGAAAAAGTTTTTGGAAATAACAGGTTAGGATTGTAAGGTAT
GTGTATCTATGTCGTCAGTGTCAATATTTAGTTTGGGCCTTGTGTATCTACGTCCTCAGACTCGGGAGTCCAAT
GTTCTTTTGTATGAAACAGCTTCACTGTTACCGTTTTACCCCTTATTTAAGGTGTTTTGTATATATGTTTAA
ATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3249 Novel Gene

TCTTAGTAACACAACACAAGACTTGGGCTGGAAAATGAATAAGGGCTTTAGTGATTCAAACCCAATGACATAA
GTTGGGATTTTCATAGGGCAATAACCTTCACATATATAAATACTTTCAAGACAATAATATCATTAAATAATTTT
ACAACAATGATTAGTATTTTATTAGGTAATCGTTATTGTTGATATGATAGGGACAAAGTTTGTCTTTGTTATGTT
ATATCCTAAAAAATATATAAAAAAAGTATTAGGTGAAGTAACTTTCTGGGTTATGAGGTAAGAAAAGGTGA
GCAAATCGAAGAAGGGAAGTGATAAAATTAATGAATGAAGAATAATAAAGAAAAAAGTACACACTTCAC
CTAATGGCCAATTTCAACAAATTTTCTTTTCAATCTCATGAAATCTCCAGAAAGGAAAAATGTAGGAGACATT
ATGCATTACTTGAAAAATATTTACTAAATATAGTAAATTTTAAATTATTTTAGTTAGTGTGTAATTAATAC
ATTGATAGATATAAAAAAATCTAGAATTTTGATATGTTTTTAAATATTATAATTCATTTCCCTATATTCGAAA

GTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAACAAATCTATTTTATTTTCTAACATTTTAAGAAAATTTAATTATAAATATA
TATTCTCATTTTGAATTTAAATTTATACAGTATTACCCATTAATAATGAGTTTTAAAAAAGGTCGAGTAATATA
GGCTAAAAGTAATACCATGTGTACTAATTAATAAATGAAAAAGAAAAAAAAAAGAATCAGAGATACCATCTGA
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3250 NM_001036727|Arabidopsis thaliana NDH-M (subunit NDH-M of
NAD(P)H:plastoquinone dehydrogenase complex) (NDH-M) mRNA, complete cds

GAGAAATCAAACCAACCATTTTCTAAAAGATAGACACCAAAAGAATTCCTCCATGGCAACAGCAGCAGCAGC
TTCATCTTACATAATGTTTTCTATGGTGGGTGGAAAAATGGCAAACAAACACAAAAACACACTCAGATTTT
CCATCTCAGCTCAGCTCAATGAAGCTGCAGAGCAACTAAAAGTTGGAGACCAGGAAGAAGATCAAGAACAGG
CAACGCCGAAACCATCGCCGCTACGACCCGTCGAAGTACAACAGAATGTGAAGAGCAAAAACATGGGAAGA
AAGTATGGAGGACAATGGCTTAGCAGTGCAGACAAGACATGTAAGAATATATGAAGCTTACATTGACCCGGTT
ACTTGTGAGTTTGATCAAACTCAAATGGATAAACTTACTCTCATTTTGGATCCAAGTAATGAGTTCCTTTGGAA
TCCTGAAACTTGCAATAAAGTCTATGCTTACTTCCAAGAGCTTGTGGATCATTATGAGGGAGCTCCATTGACAG
AATATACACTTAGGCTAATAGGTTCAAACATAAAACACTACATAAGAAAGATGCTTTATGATGGAGAAATCAA
GTACAATATGAATGCAAGGGTCTCAACTTCAGCATGGGAAAGCCAAGAATTATGTTCAATGCCAACGATCTA
CCTCAAGATGATCTAAATCACAATGAATATTTACAAATGAAATTAATGTTGTCTTCAAATAGAATCATAA
ATATTATTCATTTCTGCTCATTTTGTGCTGCATCAATGCATAAACTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAATAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3251 NM_112923|Arabidopsis thaliana TGD2 (TRIGALACTOSYLDIACYLGLYCEROL2); lipid
transporter/ phospholipid binding (TGD2) mRNA, complete cds

ACGAGAACGCTCTTCTGAGTCCGGAAATGGCAGTATTCAAACAGTTCTTCTTCTTCCCCATTTTCACCCATTTCTT
CGCTCTAATTCCTCTTCTATTGCTGCTTGGCTGAATGTCATCTCTACTGTAGTGTAGTTACAATCTCGAGTTACA
GTTGTTTGAATCTTCTTTTACAGTTGCAGTTGTGCAATATGGTGGGAGATATTCGTGTGCAGTTGTAACATG
TTCTGTGACGTTACCCTCATCCTTGGTTACCCTTCCACATAGATCTTCAAATAGGTTGTCTTATCATCTCCCATTG
GGTCGGAAATCAAAGTGAAGCAGATAAAGGCTACATCTGCTGATGCTGGACATAGTCAGCCCCCATCATCTT
CAGAAAGAAGGAATCCACTTTCCCTTTTCTTGATGTTCTCGTACTGTGTGGAGGCAAACATTGCGTCCTTTG
AGTAATTTTGGGTTCCGGTCAAGGAGCATATGGGAAGGTGGGGTTGGGTTGTTCTAGTGTGAGGTGCTATA
CTCCTCACACTCAGTTTGGCTTGGTTGAGATGCTTCAACTACGGTCTAAATTTAGAAAATACTTGGCTGTCTTT
GAGTTTGCTCAGGCTAGTGGTATTTCTGTTGGAACCTCTGTGAGAATTAGAGGAGTTACTGTAGGCAACGTCA
TTCGTGTAAACCTTCCCTGAGGTGTATTGAGACTGTTGTTGAGGTTGAAGATGATAAAATAATTATACCCCGT
AATCTTTGGTTGAAGTAAACCAATCAGGTCTTCTATGGAGACAATGATTGACATTACTCCCCGGGATCCCTA
TCCAGTTCCTTCTGCANGACCACTTGATC

>trans_s_3252 AY172330|Populus balsamifera subsp. trichocarpa x Populus deltoides rapid
alkalinization factor 1 precursor (RALF1) mRNA, complete cds

ACTGTGAACTCCAAGAGCAAGAGACGAAGCACACCCCCACCGACGATTCGCCGGAGCAACACCGCCGGAGCT
GAAGAACTGTCAATTCCGAGTAGAAGACACTGAGAAACGAAGACAGAGAAAGTACGACCTTTTTTCTTGCA
GGCAATGGCCGGATTCAATTCTCCGACCTTCTCCTGATCTCCGCCGCCGTGTTTCTTATCTTCAGCTGTTCTC
AACCGCCGTCCACGCCGGTATTGGGATCCAAACAGTCTTGCATGGATTCTAATCAATCTACCTGTAAGGGC
TCCATAGCGGAGTGTTTCGGGGGAGAGGAGTTGAATTTGATTAGAAAATCAACCGCCGTATCTTGGCAACTA
GCCAGTACATCAGCTACGGCGCTCTTCGGAGGAACAACGTGCCGTGCTCGAGACGTGGTGCGTCTTATTACAA
TTGTCAGCCCGGAGCTCAGGCCAATCCCTATAGCCGTGGATGCAACGCCATTACGAGGTGCAGGAGTTGAGT

>trans_s_3253 DQ118106|Glycine max plastid division regulator MinE mRNA, complete cds;
nuclear gene for plastid product

>trans_s_3254 XM_002892131|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F21B7.33, mRNA

>trans_s_3255 AY099592|Arabidopsis thaliana glutamyl-tRNA synthetase (At5g26707) mRNA,
complete cds

AAGCAACAAATTCACTACACACACAACACATTTGAATCTCTTTAAAAAAAATGTGACGCGTTTGATCAGCA
GCTTCTTCCCCACCAATCGCAAGGAACAATACTACGTTGAGGATCGATCCGGCTGCGAAAAGTGCCCTGAAGA
TCGAAAAGAACGCTACCAGGGCGAGGATCGACGAGCGTTTGACAAATCTTTGACGATCGAAAGGAACGGTA
CTACGTGGAAGACCGCCATTCTTACAGGCAATTTCCGGAGAAAGATGTGGTTCCAGTTGATTCTTCCGATCTT
CCATTGCTCCAAATTCCTCTGCTGCCATAAACGCTCAGATTGACTGGAAGGAAACCGCTGATGCATACGTTTTC
AAGTTAGATCTTCCCGGAGTGAAAAACATGAAATGAACTGGAGATTGAAGACAATGGAGCTCTGTGTATC
AGCACTGAAATTAGGGCTGAGAGAGAGGAGAGAATCGATATTTGGCGTCGTGTGGAACGAAGCAGTGGGAAG

GATCTACCGGCGTATTGTGTTGCCGGAGGGTGCGGATGTAGATAAGGTGAGGGCAGAAATGTATAACGGAG
TATTGACCGTCACTGTGCCTAAATACCAATTTAGGAAGCCCATGGCCAGAGTTGTCCAAATTTCTGGACATTAA
AATCTCATAAGATCATATGAAGCATATCAAAACAATAATAATAACTAAAGGTTGAAATAAGAAAGAAACAA
AAAAAAACAATAAAATGATTATCACTATGTTCTGCTTTTAGGGAATTAATAAAATCTTGATTATGTTTGCTCTAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3256 AF178530|Malus domestica serine/threonine protein phosphatase 1 mRNA,
complete cds

GACGGAAGAAAACAAATAAAGAGAGGAAAAAGAAAATTTGCGTTAATCGAGTTGTTGCTGGTTTTGGGGTT
CTTCGATTACTAGGGTTTCTCTGTAATCTTTTTCGGAAGAGGATCCGAGAATCTTTAATCCTGATGGCTTCGCA
AGGACAAACAAGTATTGAACCCGCTGTACTCGACGACATAATCCGGCGCCTCACCGAAGTCCGCTCCTCTCGT
CCCGGGAAACAGGTTTCAGTTATCAGAGAATGAGATCAAACAATTTGTGCTGCTTCAGAGAGATTTTTATTC
AGCAACCCCAATTTGCTCGAGCTTGAAGCCCCTGTTAAATTTGTGGTGACATTCATGGGCAGTATAGTGATTTA
CTAAGGCTCTTTGAGTATGGAGGTTTTCTCCAAGTGCCAATTATCTGTTTTTAGGAGACTATGTGGACCGTGG
CAAGCAGAGCTTAGAAACAATATGTCTATTGCTTGCCTATAAGATCAAGTACCCTGAGAATTTTTCTTTTTAA
GAGGAAACCATGAATGTGCTTCAATTAATAGGATATATGGGTTTTATGATGAATGTAAGCGGCGGTTAATGT
GAGACTCTGGAAGGTGTTTACTGATTGTTTTAACTGTCTTCTGTGGCTGCTCTTATTGATGAAAAATTTTGT
GCATGCATGGTGGTCTCTCTCCGGATCTTACAAATCTGGATCTAATAAGAACTTAGGCAGGCCAACCCCTATC
CCAGACACTGGTTTGCTATGTGATTGCTTTGGTCTGATCCTTGTCGGGATGTTTCGAGGGTGGGGAATGAATG
ATAGAGGAGTCTCTTACACCTTG

>trans_s_3257 NM_112438|Arabidopsis thaliana zinc finger (Ran-binding) family protein
(AT3G15680) mRNA, complete cds

AGAGAAACGTGATCAAGCCATTACAAACCAAACCGCCATCACCTTCAACTTCACGCAGAAGGAAAAAGAAA
AAAAATATCAACAAAAGGATGAGTCGGCCGGGGGATTGGAATTGCAGGTCTTGCAACCATCTCAACTTTCAA
AGGAGAGATTCTTGCCAACGATGTGGAGACCCTAGGGCCGACTTCGGCGGCGGAAGCTACGGCGGTGGACG
AGTTGGTGGTTCTTCATCCTTCGGTTTCACTACCGGCCCGACGTCCGCCCTGGGGATTGGTACTGCACCGTCG
CTAACTGCGGCGCTCATAACTTCGCTAGCCGCTCTATCTGTTTTAAGTGCGGCGCCACCAAGGATGAGACTTCC
GCCGCCGCTTACGACGGCGATTTGCCAGAATGAGAGGCTTTAACTTCGGCGGTGCCTCCAACCGCCCTGGAT
GGAAATCTGGTGATTGGATCTGTGCCAGATCGGATTGCAATGAGCACAACCTTTGCGAGTCGAAGGGAATGCT
TTAGATGCAATGCGCCAAGGGATTCCAACAGCAAGTCACCATACTCTTAAAGGTGGTGCCAATGGAAGGAAT
AAATTCTAGCTAGAAAGAAGAGGAGAGTTTCCCATGATACCTGGAACGTCGTCGTTTTGATTTTTCTTTTTT
GTACCCTCTCTATTTTTCAGTTTCAAAAGTGATTTAAGTGTCTCTTTTTGACGGGGGAGCTTTAAATTTAGAAG
AAGTATGAGATTCTGCATGCATGCAGAAAAAAAAAAAAAGCTTTGGCAGTACCATTTTAATTAATTAATGA
GGCCCTATCTTTGTATCCAATTTTCAAA

>trans_s_3258 EU284120|Cucumis sativus C2H2 zinc finger protein 1 mRNA, complete cds

AGAAGAAGACAGACCCAACCGCCGAAATCTCCTTGAATTCGCTCTTTCTTCTCTAGTTCCCGCCGACGCTCACC
GCACTCTAACCTTCCATCTCCCTGTTGGTTCGACCAACTTTAAAATAAGACGGAGATCGATAAACATAATGA
TGAGGGAGATGATAAAACAAAATACGGTAACTCAATATTTGCCAGCAATGTGGCGCCGCGTTCAGAAAGCC
TGCTTACTTGAAGCAACATATGCAAAGCCATTCTCTCGAGGAACAAATCCTTAAATATAATAAATGAATGTGAA
AGATCCTGGATATCTCAGCGTGAAGCATTGGATCCACATTAAGAACTCCAAAATGCATGAGGCTGGATTTTG
TCGTTGCTTGACTGGATCAGTATCAGGTTGGGAGACCACCTGAGAAGCTCCATCAAGTGGGCCTCGGTCACGC
TACAGTAGTTTGAGAGGTCATATGTTTGTTCATAGATGGTTGTAATGCTAGTTATAGAAGGAAGGATCATTT

GACCCGCCACCTTCTCCATCACCAAGGAACCATGTTCAAATGTCCAATAGAGAGCTGTTGCCGTGAATTTGCAT
ACTTATCATGTGTGACCAGACACTTGAAAGAATGCCATGAAGGTGAAGCTCCTCCTGAAGAATGTCAGAAGCA
GTTTGTGGCCCCGAAGATGGATGTGGGGAAGGTTTTGAGACATGCCTCCAGACTGCAAAAGCATGAGGGCT
CCCATGGTAAGCTAGACTCAATAGAGGCATGGTGTACTGAACCGGGTTCCTCNAACATTTACCAACAAGCA
ATGTCTGAGGGCTCATATGCAGACCT

>trans_s_3259 NM_112071|Arabidopsis thaliana ITN1 (INCREASED TOLERANCE TO NaCl); protein
binding (ITN1) mRNA, complete cds

GATTTAAAAAAGAAAAAGAAAGGCTAAATTCTTCGACTTAATTTCCAAGCGCTTCCTCTGCTCTCCTTTTTC
CTCCTCCATTGTTTTATCTGAATTCCTTTTTCTCTTACTTAATCTGAAATTCATCTCTCTACTAACTTTGCACCC
CCAATCTGAGCTCTCAAATCCTCCATTTAAAGCTTTTGAGAACTTGAAATCTCTTGAATTCATGATGGGCAGTTCT
TCAGCTCAAGTGGTAGTGGATGGCGATGGTGATTTAGAGAAGGGGATTTGAGTTTATCATCGAATCAAAAC
CCTCTGGCTGAGTTATCGCCATCGCCCTCTCCGTCGTCGACTGCAACGGCTCCGGCTCTTGTTCTATCCAATTCA
GGGAAGCGGATGGACCAAGCCGGGAAGAAGAAGTACGTGAAACAAGTAACAGGACGCCACAACGATACTG
AACTTCATCTGGCGGCGCAACGGGGAGATCTAGCCGCCGTGAAGCAGATTCTTGATGATATTGATTCACAGAT
GGTGAGAAATCTCAGTGGTGCGGATTTGATGCGGAAGTTGCTGAGGTTTCGATCATTAGTAGTGAACGAGGT
CAACGAATTGGGAGAAACGGCTCTGTTACCGCCGCAGAAAGAGGACATATAGAGGTTGTTAAGGAGCTATT
GAAGTATTCGAATAAAGAAACACTTACGACGAAGAACAGGTCTGCTTTCGATCCGTTGCATATAGCTGCAAGT
CAAGGACACCATGCTATTGTTCAAGGTGCTTCTTGAACATGAACCTTCCTTAAGCAAAACCTTTGGACCTTCGAA
TGCGACTCCACTCATTACTGCTG

>trans_s_3260 AY070401|Arabidopsis thaliana At5g02770 mRNA sequence

AGAAAAGCCGTGCCCCCTTTTCACGCGGCAATTCCCCTTTGCAGCTTTCGTGGTTCGCAAGCAGCTCCGATTA
GGTTTCCGGTCTCAAATCCGCTCATCCAATGGCCACGGTAGCACCCGCAGGACTCAATGACATTAGCAATAGC
AAGAACCCGCTTGAGAAAAACCTAGTCAAAACCTAGAACCGACGATTTCTTCATCTGCTCAGACTCCTGCCTC
CGTTCCGCCTTCGTCAACTGATGGCGGGTCATCCAAGGAAGGGGATGAATCCAAATGCTCCGGTAAGCCGTC
GGCTGGAGATGACGGTGACCGGTTTCTGATGTTCAAAGGAAAATGCGCCGTGCTGAGCGTTTTGGGATTTT
GGTGCAATTGTCTGAAGAAGAAAAGCGTAATTCTCGAGCGGAACGGTTTGGTATGGGTACCACAATAATGG
ATTGGGAGCATCTAACAAGACAGAGGAGGTGAAGAGAAAGGCTAGAGCTGAGAGATTTGGGCTTTCTGCAT
CTGTGACTACTGATGACGAGGCAAAGAAGAAAGCACGTCTTGCTAGGTTTTTCATCAACACCAAAGCCAGACCC
CCAGGAGGAAGAAAAAAGGAAAGCAAGAGCAATCAGATTTTCTAATCCAACACCAAACCTCTGTTACACAAGT
GGATGGGAAAGGAAACGTTGAGACGATTGCAGATGTTGCTGGCAAGTCTGGAGGCGGTGCCTGAAAAAAAC
ATTCCCTTTTGATGGCAAGATAGCTTTTGCTTGTAATTTTTTTTTTTGTGGTCTAGTATCCTGGCTAGGGATTCC
CTGTAATGGCTTCCATACCTTGTGCATTCT

>trans_s_3261 EU096498|Cucumis sativus cultivar Jinyan 4 stachyose synthetase variant 3 mRNA,
complete cds, alternatively spliced

TATGGAGGCGTAATTGGGACTTTCAACTGCCAAGGAGCAGGGTGGGACCCAAAAGAACAAGAATCAAGGG
ACATCCAGAATGCTACAAACCAATGTCCACAACAGTACATGTCAATGATATAGAATGGGACCAAAAACAGAA
GCAGCCCCAATGGGGAATTTTCGTGCAATACATTGTGTACCTGAACCAAGCTGAACAAATTATCCACACGACCC
CAAAATCCGAACCGCTAAAAGCGACCATTAACCATCCACATTCGAATCATCAATTTATTCCGCTAAGAAAG
CTAGGTTCCAACATCAAATTCGCCCCCATTGGCCTGACGAACATGTTCAACAGTTCAGGAACCATTCAGCATTT
GAAGTATAACGAAAATGGAGTAGAATTGAAAGTGAAAGGAGGAGGAAATTTCTGGCTTACTCAAGTGGGTG
ACCGAAGAAATGCCTGTGCAATGGAAGTGAAGTGAATTTGTATGGAATTCGATGGAAAGCTGAGTTTTGAT

GTTCAATTGGATTGAAGAAGCTGGTGAATTTCTAATTTGGATATTTTCTTTTGAGAGAGAGAAAAAGAAGTTA
ATATCTAAGTTGAATTTTTATTTAATTTTATGCATTTTGTTGTCTTGTGTTAAGTGACATGTGTGCTAAGGAATA
GCCATGTCAATTAATAAAAGGCTTTTATCATTATCATCATCAACATTGTTGTTGTTGTTATATTTTCAACTTTT
TCTTTTATTTTATTGAGATTGTTTTGAAGATTTTCTTTGAAAGAGGGAATTATGTTTTTGGATTTTTGTTTGA
CTAAATAAATGTGTCTTTATG

>trans_s_3262 AY108128|Zea mays PCO082816 mRNA sequence

ACGTATTTTCGCTACGGAAATTTGCATCTACAAAACCCTACTCGATTGCCAGCTCCTCTCTGCAACTACCATC
GTTTTCTTCCCAAATACTCTCGCTTCTTCTTTTCGAAAGGCGATCAATTGAAATGGCAGCAGCTAGGA
CCGCCGCTAGAATCTTTCCGAAGGTTTTCGAGCAGCGGGAAGATACTCAGCGAGGAAGAAAAGGCTGCTG
AGAATGTCTACATCAAGAAAACCTGAACAAGAAAAACTGGAGAAGCTTGACGCAAGGGACCTAAACCAGAA
GAAAAGATAGGAGAGTCAGTAGCCGATTCCGTTCCAAGCAGCTCTGCCTCAGGTTTCATCTCAGCCTCAGCCT
CAGCCTCAGCATCAGGAGCATCATCGGAGAAAATATCGACTGACAAACAACGCAATTATGCTGTTGTAGCTGG
AACTGTAATATTCTCGGTGCTCTCGGATGGTATCTCAAATCTAAAAAGAAGCCAGAAGAAGTCCATGATTGA
GTTAACCAATGAAGTCATTTTCATATCATTAGCATCTGAAGCTTGGGAGGTGAGATTTCCTTTCTCTGCTAA
ATAAACCAAAAAATCAAGATGCATATGGATCTTGTTAATGAATACATTATGTTTCATATTGACGTTTCTCCTGA
AAATGGTTTTTTGGCCTTATTTCTGTTTACTTTTCATGGAAAATTGACCCTGAGACAGTGACAGGATGAGACATG
CTCTGTGACAAAGACTTGGTTTTATTGGATTTTCATTTTCACATTCTCTCAATGATGATATTTGAGCAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3263 XM_002891754|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRPABC16.5, mRNA

TCGTAATCACCGAGTCACGGTGAACCTCTTTTCAGTGAACGAGTCACGCCCCCATTTCTTCCACGAAGTCCCT
ACGTTTGCCCTAACCCCTCGCCGCTCCTTGACGCCGTGCGTTAGCACTAACTTTTGGACAACAAAACCTGCTGTT
GAAGGATGGTTGAGCTTCTATTTGACGATATTTTAAAGATCGAGCGATTAAACCCTGATGGTAAAAAGTTTGA
TAAAGTTACTCGAATAGAGGCAAAGAGCGAGAAGTTTGACATGTTTCATGCATCTAGATGTAAATTCAGAGATA
TACCCACTGAAAGAAGGCGAGAAGTTCTCGATGGCACTAGCTCCAACCTCTGAATCTTGATGGAACCCCTGACA
CTGGATATTTTCTTCAGGGCAATCGGAAGTCGCTTGACAGACAGATATGAATATGTCATGCAAGGGAAGCTGTT
CAGAATTTAGAAAAGTTCTGGCCATGGTGGAAAAGCTGAAATAGATGCTTCTTTTGGTGGACTTTTGATGATG
CTGAAGGGAGATCCCTCACATTGCAGCAAGTTTGAACCTTGACCAGAGGCTATTTCTTCTCATCAGGAAGGTGT
GAAGCGACTTTTCATTTGATTGAACTCTAATGATTTGCTACAAAAGCTCTGGGCATTGCATATCGCTATCAAT
CTGTGAATGTTTAGTAATATGTATTGTTAGAATCAAATTTCTATCTGTATCTGATTAAAGATTGGGCAATGATCT
TATCTTCTGAACTAAATTGATATCTTGCCTATAATGTCATGAATAGTAGCAGAACCTTTCAAGTTCTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3264 AY058877|Arabidopsis thaliana At2g04410/T1O3.18 mRNA, complete cds

CTCTCAATCAATCATACACCCAAATCAACACATCTTCTTCTTTTCTTCTCTCAACCCTCACTCATGGCGGAAAA
AGGCAGTAGCAGTCCATTGCCAAAGTTCGGTGAATGGGATGTCAATGATCCAGCATCCGCCGAGGGATTAC
AGTAATCTTTAATAAAGCCAGGAATGAGAAAAAGACTGGTGGCATGCCTGACTCTCCAGCGAAGGATGAAAC
AGCATTCAAGAATGGTTCTGTTCTTGGAAGTCTCAACCTAAAAAATGGTTTTGCTGCTTGCAAGCTGCGGAAT
CGTGAAGTTTTGGGTTGATAAAGGGGGTTCAGCAGAATTGTATAATCTGAAAATTCTGAACAACACGAGT
GAAGCTGTATTTAAACCTGTGATGGATAACGCTGGACTCCATTTGTTAGAACTTTTGTCAATAATTTGGGGGT
CTGGTTGGGGATGAGGATGATTAAATCTAATCTATCATTGTCTTGTATGTTGTTCAATTCTGCATAAATGACAA
TTGTTGAAGATTGTTGTATTCATCATCATCCCTCCTCCCGCTACTTGTGAAATGATGTTGTTTGTGACACTTTC
TTGTATGAATGATTTCAAATGTCTATCTTTTCTATGTAGTCTCAAATTTTATGCAAAGGGCTGTTTCATATCCCT

TCACACACCTTCCATTTCAATTCATGTGTGGTCGGTTATTGAAAAC TAGACGATGTTGAACTATTTGTTTTGGTT
TTTCAGAACAAATTAGGTTTTTTCTTTAAAGAACTTGAACGACAATGCTGGTTCATTATTA AAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3265 NM_001125305|Arabidopsis thaliana CPuORF61 (Conserved peptide upstream open
reading frame 61) (CPuORF61) mRNA, complete cds

TTGCTCCTTCGGAGACAGCTATGACTGATGTTCTTCGTGAGGTTTTAATCATGAAAATGTTGGAACATCCCAAC
ATAGTCAATCTGGTTGAAGTGATAGACGATCCGGAGGATGATCGCTTTTATATGGTTCTTGAATATGGGGAAG
GCAAGTGGGCTTGTGAGGGTTATGATCCACCACGTGGTCTAGATGGAAATATTGCTCGGAAATACTTACGTGA
TATTGTCTCGGGACTGATCTATCTCCATGTTCATAATATAGTGCATGGTGATATAAAACCAGATAATTTGTTGA
TAACCCTTGACGGTACCATAAAGATAGGGGACTTCAGTGTTAGCCAGGTTTTTGAGGATGAAAATGATGAGCT
TCGCCGTTCTCCTGGAACCCCTGTTTTTACTGCACCAGAATGCTGTTTAGGTATTACTTATCATGGCAAAGCGG
CTGACACATGGGCAGTTGGGGTGACCTGTACTGTATGATACTTGGTCAATATCCTTTTCTTGGAGAGACGCT
GCAAGATACATATGATAAAATTGTCAATAATCCATTATTGCTGCCTGATGATATGAATCCCCAGTTGAGAGATT
TATTGGAAGGAATTCTATGTAAAGACCCTAGCCAGAGGATGACACTGGAAGCCATATCACAGCACAGCTGGC
TTATTGGAGAAGAAGGTCCAATCCCACAATATCTATGCTGGTGCAAGCGCAAGAGTTTGGTGGTGGAGAAGC
AACAGTCAAACCTACAACCAGAAGAAAATGGGAGTAAATACAATGATTTTGACGTGGCTCCTCCTAATTTGTC
TATGTAGTGATTGGATTNGTGGTGT

>trans_s_3266 GQ377238|Populus trichocarpa tau class glutathione transferase GSTU45 mRNA,
complete cds

TATAGTCGGAGACTGGAGTTAGCTCTCAAAC TAAAAGGCGTGGATTATGAACACATTGACGAAGATATGCTTA
ACAACAACAAGAGCGATTTGTTGGTGAAATACAACCCAATTTACAAGAAAGTGCCTGTTCTTGTCCACAATGG
AAAACCCATTTT CAGAGTCTCGTGTAATCCTTGAATACATTGAAGAACTTGGATGGAAAGTTATGCCATCTTGC
CTAAAGATCCCTATCAAAGAGCTCTTGCCAGATTCTGGGCTAAGTATATTGATGACAAGGTTGTGCCTGCGAT
AGAGAAGGCTTTTAGAAGCAATGAAGAAGAAAGAGAGAAGAGAATAGAACAAGCTCATGAGATGCTAGAAC
CACTTGAGAAAGAGCTTCAGAACAAGTTATTCTTTGGAGGAGACAAAATTGGATTGTTGACATTGTAGGTCT
GGTTTTACCAGGCTGGATGCATGCCAGTGAAGAAGCTGCAGGCTTTGAGCTTCTAACAAC TCACAAATTTCCA
AACCTAAACAAATGGATTCAAGACTATATGAACCACAGCGTTGCAAAGGAAGTTCTACCTCAGAAGGATTTTC
TTGTTGCATTTTTAAACAAAGTTGTGTTTGGTCGAAACAACTAGCTGTTGAGAAGATGAAAGGTTTCATGTTAA
TGTTTTGGTATTAAATTTGATATGTAATATTTGGTTTTTGTAAACCAATTGTGTTCTTGAGTAATATTTATGATCT
TTTAACCATAAAATAAGATTCTATTGCTACATTTTATAAGCTAATTAATAAATGTATGTTTAGTTGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3267 NM_112598|Arabidopsis thaliana HS1 (HEAT STABLE PROTEIN 1) (HS1) mRNA,
complete cds

ATACTCATGTTTGTAATCTCATTTGATTAAATGCATCATCACTTGAAACGTGTCCTCATGTTATCATTGACACAC
TTTATTTCAATCAAAACAATAACCGCTTTTATTTACATCCTATTGGCTTCTACCTTCAACTACTTTCTTCCACAA
TTATTATTTTTCTTCTTTCTTTTCGATTTGAAAACTGCCCTAATCTTCCAACCAATTAGCTCAATGGGGGAA
TCCAAGGCGTGGTCAAGCACATTTTGCTTGCGAAATTCAAAGATGGAATCTTAGAGGAACAGATCGACCAAC
TCATCAAGGGATATGCCAATCTCGTCAATCTCATTGAACCAATGAAGGCTTTCAGTGTGGCAAGGATGTTAG
CATTGAAAATCTACACCAAGGTTTCACTCACGTCTTTGAATCTACCTTTGAGAGTACGCAGGGCATAGCTGAGT
ATATATCGCATCCCGCACACGTGGAATTTGCAAATAAGTTCCTCTCTTCTTGGACAAAGTTATTGTTATCGACT
ACAAACCGACATTGGTTTGCAACTAATTTGGAGGCTAAATGTATGGTTGCTGTAAC TGAGGGAAATATTGTTA

TGCTGTCCTATGAAATAAATGTGAGCCCTTTTAAAACATAAGCTTAGATGATGCTTATACTAAAAAGGTTTTG
TTATTACCAGTTTATTTGTATGAAGTCTTGTACCAGCCGTTCTGCTGCTTTCTTGTGCTGATCTGCACAATGCA
CTTAGTTATGAAAATGATTGTTTTGGTTTATAATGAACAAATCCTTCTTTGTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3268 NM_118819|Arabidopsis thaliana VTC2 (vitamin c defective 2); GDP-D-glucose
phosphorylase/ GDP-galactose:glucose-1-phosphate guanyltransferase/ GDP-galactose:> (VTC2)
mRNA, complete cds

TGCAGCCCCATTCAATCCCCATTTTACCCACTTCGTCTTCTCCTTCTCCTTCGTCTTCCAGTTCGGTTTTCCCCA
TCTGGGTTCTCCTGATTTCTCTTAAAATCAACTACCCATGTTGACTTTGAGGAACTGGTGCGTTGGAATTGA
GCTTTCGAAGGAGATTTATTGTTTTTATCACAACCCATCTGCTCGAGGTAAGGGGTAAAACCCGGGTTCTGTCA
GGCTGTAGACATCACGGCTATACACGTAGTTTCCCGGTCGTTCTTTCATGTCCGGGCTGTACGACGGAAGGGT
TGTATAACTCCGACAAACCTTCGCCGCACGGCGGACGTGGTGCTTGCCTTCCGAAGGTGGTAGTCCTTCTG
ATCTTCTTTTTCTCGCCGGCGGTGGATTCTCTTGCTTCTTCTTCTTCTGATTAGCTTTGCAACGAGTCCGTTTG
TGTTTTAGCTCTACCGGTTTAGGATTTGACATCAGCAAGTTTCTGTTTTGCGTTTCTTGTGTTTTGGGTGGGAGA
TTTTGGTGTTGGGTTTGGTTTGAATTAGAAGCAGACGATATGTTGAGGATTAAGCGTGTTCTACTGTGGTTTC
TAATTACCAAGAGGACGAGACAGAGAATGTCTCTCGCAGAACAGGGTGCGGCCGGAAGTGTCTTAATAAGTG
TTGCATTGAAGGAGCCAAGATTCCATTATATGCTTCAAGAAGCTAAACAAGATAACTGGCTCAAAGGCTTA
TGCTGCGAATATGAGAACAGTGTTCTCTGTTGCTTTTCTGACTCTCTGCTTCTTGCGAGTGAGGAGGACCG
GATGCAGCGGGGGCTTT

>trans_s_3269 Novel Gene

AACCAAATCTTCGGCAAACCTCTACAAAGCTTCTCTCCTCGATTTTATTATTATGATTTTTTTTATTTATTTTAATA
TTTCTCAGTGTTAGATCTCTTAAGATTTGAACATTTGTCTCTTCATTTGATTTTATTTGTTGAATTTTCGCAACGG
AGAAAGAAGCCTAATATTGCAATTCTCTGATCTGCCGATATGGAATCGATCAGAGAATCTATCGTTAGGCGA
TACGGAAGGTCGGTATGCATATAACTTCTATGTGTATTTCTCCCTTAGCTCCGAATCTCCTCCTTCTCTTCTG
GAACAGTGGGATGTTTCGGTGACAAGGTAGATACATTCTGTTATTCCTTCTGATTTCTTCGTTCTCATTTCCGGT
TCCGTTAACTTTCTTAGATTAGTTTCGTTGATTTGTTGATTCCAATTTCTTTGAATCTACCGTGTTTG
ATATCGATTTCTTCGCTTGAATTCGATTTTGTGATTTCTTACATTAGTTTCTTATGCCTTCCATTTTTTTAA
TAAATCTTCCGTGACTGGTATTGATTTGTTATTCCTTCTGTTTATGCATTGTATAATTTATTTCTTGTTAAATTG
GATTTGGTTTTTGATGTTGAGTTTATGATGTGAAAGGATGAAAAAATCAGACGGATTCCCAATGATAATCC
ATGATATTACAACAGCTACTTCTGATCACATCAAAAATACTTCTAATCTCTTTTTTCACTTCTGATTTTCCACT
CTTTTCATTTGAATGTATGAAAGATTTGTTTGATGTTTTTTTTGTTTCTATTAACGAGGCCGGTGATGTGATT

>trans_s_3270 AJ417435|Cucumis sativus partial mRNA for phosphoenolpyruvate carboxylase
(pepc1 gene)

TATTATTAGAAAAATGTCAAGAACCTTCAAATGTTGCAGGAGATGTACAACGAATGGCCCTTCTTTAGGGTC
ACCATTGATTTGGTTGAAATGGTGTTTCGCTAAAGGAGACCTGGAATTGCTGCTTTGTACGATAAGCTCTTAGT
CTCAGAAGACCTCTGGTCGTTTCGGAGAGCGCTTGAGAGCCAACTATGAAGAAACAAAGAGCCTTTTGCTGCA
GATTGCTGGACACAGAGATCTTCTGAAGGGGATCCTTACTTGAAGCAAAGACTTCGTCTCCGTGATTCATAC
ATCACGACTCTGAACGTGTGTCAAGCCTACACACTGAAACGAATTCGTGATCCAACTACGACGTGAAAGTTC
GACCACACATTTCAAGGGAAATAATGGAAGCAAGCAACCAGCAGATGAACTCGTTCATCTAAACCCGAAAA
GTGAATACGCACCTGGGCTAGAGGACACCCTGATCTTGACCATGAAGGGCATTGCTGCTGGAATGCAGAACA
CTGGTTAAACAGGAGAGCGTTATATTATATAAGCAAAGCCTCCTTTGTTGTTTGTGTTTGTGGTTTGTCCCAT

CATATATAAATTGCCATTGCCAGGAAAGAAAAAGGCTCATAATTTATGCCATCAGAAGTGGATGTTGTTTAAG
TGAATCCATCTTTTGATGAGAAGAGATGTTGAGTGACTGACTTTACTGCTTTGCTGCATAATCAAAATCACTGT
GCCCCAAATAGTAGAGTGGCCAGTGGATTATGTTTACCTTACAGGGCATTGTTTTAAATAATTTGCATTAATG
CTGAAACAGTCCTTTCTGTTATTTT

>trans_s_3271 AY624575|Cucumis melo RING/C3HC4/PHD zinc finger-like protein (Drzf) mRNA,
partial cds

ACTCCGTCCACCGAGCTGACGATTCCAACGCTGTCGTTAACTCCGATACCGACGGAGGTGATATTGAAGCTCA
GTCCAACGACGTCGTTTCAGAGACGACGGCTCCACCTACGGTTCAGATACAAACGGAATCAGAGCTCAGTAC
GACGACAAGTAACAAGTCGTTGAATCGGACACGTACACGGGGATCCCGATCCAATAGATTGCGGTGGCTATT
TCCCCGGCCTCACTCCACCGGCCACTCCTTGTTTCAGCCTGGGGAAGACACTGAGCGGTTTACTCTCCGGTTGC
CAGTGGAGATAAGGAAACAAGTGGTGAACCGGAAGCTGCACCGGGCGACTAGTATGGTGGTTCTGGCGAGG
CAGAGCAGTTCGATGAGAGGATACCGATTGGTCCAGGTGAAGGGAGTAGTCGAGGGAAGTATTACCGGAG
GCTTGAGCGGTTGGACAGAACATCGAAGTCGGACCGGTGGGTGTTGTCAATGACACCGCCGTTTTTTACGCG
TATGTCGTCGATGAAGACTCCGCGTGGAGGGAGTAACCGTGCTGAACCCGGTTCGGGCCGAGAACTTGGACA
GGGGAATACCGCGGGCGATTCAAGTAGCCTCCGGTCTGAAGTAATTTATTTATTTATTCTTATATGATTTT
TTGGCCACATTATATAAAAAATTTAAATTAATCGTGAATTTCCCAAGGGGAAATTTCTTTTGTTCATAAAATT
TTATATATATCACAAGTAATGTGTACATAAATCTTGTTTATTATTCTTTCTATAACTATAGATGTTGGTCTTAG
AGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3272 Novel Gene

ATTATCGTTCCTTTAAGTTTCCTTCTTACTTATTTAAGTTCAAAACATTTCTTTTTAGGTTTTACTGAGATGGG
TTTTTTGAATTTGAAGTGTGTTGTTTCTGGGTTTTCTTCTAACGTTTGTTCTTTTAGAAAAGGAGTTATTATAGTA
GAAGGTAGCAGTAGGCCCTTTTCAATTTCCCAATACTCGAGCTTCGGAAAGTTTTGAGGGATATTATGATTC
AAAGATTTTTGCAACAATGGGAATTGAATGTAAGTGTTGTGATGAGATTGGAGGTAAATGCTCTACTGAGTTT
ACTTCTTCTGCTCTAATCTCCATTGTTCCCCTTGAAACAATATTAATATTAATCCAATAATCCCTCAGCTCTT
TCCTTAATTTCTAGCAAACATCATTATTTGAATACAAGAGTAGTTAATTAATTTGGTCATGACTTTGGATACT
ATTTGGGTGTATGAACGGTGTGGGAGTGCATCCACTAATTTACAACCTCATTCAATCTCTCATCAGAAAAAAGCT
CAATAATATTTTTTAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAACGAAGAAAAGTTTTGTGTTGTCATGTTA
CCAATTATTATAGTTGGACAACACTAACTGGACTACTAAGTGTAGGTGAAGCTCATGATATTTGTAAGTATTT
CTTGGTATTATATATATCGCTATATATATCTTTGTTAACTTTAATCAATTATACAAATGATCTAAATTGGTTTAGG
CATAATATAACTTTAACTAACCTTAACCTTCTTGACACTATAGATAGAAGTTCAAAATTTCACTTTTTGTTTTTT
TTAAAAG

>trans_s_3273 XM_002890365|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ACAAACGTTACGCCACGGTTGATTCAAAACGACGGCCCTTCTCATCTCTTTATCCTATAACCTCTTCCTTTTCTC
TCGCCGATTCAAATGCGTCCCTTCAGGTACCTTGCCGGCGTCAATTCCTCCGCCACCTCCGATACCTTCGAGCC
TAGGTATGACTCTGACTTCGTCATAATCCTCGCCGCCCTCCTCTGCGCTTTGATTTGCGTCCTCGGTCTTGTTGC
GGTTGCCCCTGCGCCTGGCTACGACACCTTGCTGGTGATGGTGCTGGCGCTGGTTCCACTCGTCCTCCCCCG
CCTCCTGCCTCCAACAAGGTCTCAAGAAGAAGATCCTAAGGTCTCTTCCCAAGTACACTTTCACTGCTGAGTT
TTCTGCTCAGTTCTCAGATTGCGCGATCTGCCTCGCGGAGTTGCTGTGCGGTGATGAAATCCGTGTGCTGCCGC
AGTGTGGCCATGGATTTACGTGTCCTGCATCGATACCTGGTTCGATCTCACTCTTCTGTCTTCTGCGGTC
AGATTCTGGTTGTAAGTCAGTGCCAGAAGTGCGGCGGTTTTCCGGCGAGCTCCAGTTGGAACGGCGGAACGG
AATCCAGAGTGAAAGAGGAAGGAGATGATAAGACGAATAGGTTCTTACCTTAGCTCTAGGGTTTTTCTCTTAA

CTACTGCGATTCTTGTTCTTCCTCCTCCGTGTTGTAAATAGCTCTCTTAATCAAATTCATGTAATTACTGAAAA
TCGTGGATGTATTCAAGTTGTAAACAAAGGAGATTTCCCCTGAATTCAAAATCGGCCGCTCTGACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3274 XM_002314494|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

CAACCGCCGTTCCCTCAACAATGTCGGCTCGGTTGCAATGTTAATCGCCGATCGTTCATCCTCGTCAAAAAACC
CTTCACTATAAACCCCTCTCGCCTCCTCTTCAGCTTTGAATTTTATGGCGCAAAGCGACTTCCTCGACGGCGGA
GCTCGGTGAAAACTAGGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGCGAGAGACTGTCTCCG
ATGAACGAGGGCAACAAAATAGAAGAACCGGAAATCCTATTCTCCAAGATCCTTTTGAGGTTTTAGGCTCTGA
TCTATTAATGATTATACTGAGCTACCTCGATGCACGCAGCGTGGCACTTTCTCTCCTGTCTCTCGATCTTGGTA
CGCCGTTGCTTCAAGCGATCGTCTATGGAGTTCGAAGACTCGCATTATGAGGGAGGATTTATGTGATCATGCC
TGGCAATTTCACTTCAATAAGGAAGCTCCAGTATACTGGCGAGATCTTGATCCATATTGGCAAGGAAGCCACC
CTCTCATGCGCGTTATTTCCATCCCGATGGGAGCCAACTGCAGATCCTGATGATAGAGTATGGAGTGGTCA
TGAAAGCTGCTTTTCTACTGTTACAAGTTTTGTTGGTGATGGGGAGATCAGAGAACACTATGTTAGAATAAAC
AGATGGCCACGAATGTTTGTGTCAAGGAATGAAGATTGGAGCTGGAGGATGTCTAATCACTTCACCTCGTACT
TGAGCATAGCCGATCCTGACAAGGCTGGCGGGACAGGTCCACTTTAACAGCAGCTGGTGATNCAATTGCTTG
TTTGCTCTTTCTCTAGAGGCTGCTGT

>trans_s_3275 AF389292|Arabidopsis thaliana AT4g01150/F2N1_18 mRNA, complete cds

AGAAAAATCTCAGTAAAGTCATCAGCTACAGCTGCTCTTTGACGGCCACTTGATTCACTATTTCCCTCTCTTTCC
GGCGCTGATTCTAGTGTGGTTGAACTTTCTGCAAAGAAATGGCAGCCACGGCCTCCCCTACAGCGGCCACCGC
CGTTCTGAGACCTTCTCTGGCTGCTTCTCAACCCACTCGCCGCTCCGTTTTGCCGCTCCTTCCCCCTCGAGTCGG
CTCCCCGTCTTCTTCTCCACCTCCCTCAAATTATCCTTAGACTCACGTAGATCGTCTCTGCTTCAAACCCGAGCC
TCATCTTCAGAAGAATCATCTGCTGCTGATGCATCTGAGCTCTTCACAGACTTGAAAGAAAAGTGGGATGCCC
TTGAGAACAAATCCACAGTACTTCTTACGGAGGCGGGGCAATTGTTGCGGTTTGGCTTTCTTCAATTCTTGTT
GGTGCAATCAACTCAGTTCCTTTGCTTCCGAAGATACTGGAGTTGGTAGGGCTTGGATATACAGGGTGGTTTG
TGTACCGATATCTACTCTAGTAGTCAAGCAGAAAGGAAGTCTGATGACATTGAAGCATTGAAGAAGAAGA
TTGCTGGAACCGAATAAGATGCGTGTTATTTGGTCCCTATGTTGACATGCTTAGTTCCTCTTATTATCATTTTG
TACTCTATTCTCTTTCGTTTATAAGAGGTAATCTAAATCATGTAATGTGGAATAGGTTTTGCTTTAATCCATGTA
ACTCATGTTCCCTTTCATTGTATCTTTGTAATAAGATTTGTCAAGTTCATTTATGGGAAACCCCCCTTTTCTCAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3276 NM_106607|Arabidopsis thaliana SYP52 (SYNTAXIN OF PLANTS 52); SNAP receptor
(SYP52) mRNA, complete cds

ACCTTTTTCATTTTGATTTTTCTTTTAGGGATTGATTGATTTCCAATCCAAATTTGAGAGGCCAAATTCCGAC
GTTTTGATTTTCGATTCCGATTGATCGACGAACGTTGGTCGCCGGCGGTGGCTGATTTGTATCTTCTTCATTTT
TATTCAATTAATTTCCCATACAATTGGCCACAGCCGCCGTTGAATTCTCCTCGTCTTTTTCGAACGGGTCAATG
GCGTATACTTTGGAATCATGGACGAAGGAATACAATGAAGCTTTGAACTCTCTGAAGATATCAATGGCATGA
TTTCTGAGAGAAGTTCACCTGCTGCATCTGGACCGGAAGCTCAGCGTCATGCCTCAGCTATACGCAGGAAGAT
CACAATATTGGGTACCAGACTTGATACCTGCAGAGTCAATTACCCAACTTCAAGGAAAGCAACCAATACCA
GAGAAAGAGATGAACCGCCGAGGGATATGATTGGAAATTTGAGATCAAAGGCTAAGCAGATGGCTTCAGC
TTTGAACATGTCTAACTTTGCCAACCGGGATAGCTTACTTGCCCAAGAAATAAAGCCAGCTGATGTCATGAAC
AGAACAGAAGGCTTAGATAACCGAGGTCTAGTTGGTTTTCAACGACAAATTATGAGAGAGCAAGATGAAGGC
CTTGAGAACTGGAAGGGACTATAATTAGCACAAAACATATTGCATTAGCTGTCAATGAAGAACTTAACCTTC

ACACGAGACTTATTGATGATTTGGATGAACATGTCGATGTTACAGATTCCCGATTACGGCGAGTGCAGAAGAG
GCTGGCAATATTGAAACAGCGGA

>trans_s_3277 NM_118362|Arabidopsis thaliana SWIB complex BAF60b domain-containing protein
(AT4G22360) mRNA, complete cds

TTTGTCAATTTGTCTTTCTACTCTCACAGAAAGAGAGAGAAAGGAAGAAGCAGAGAGACATAAAGGGAGAGA
GAAAGAGAAGACAGAGAGAGTTCCTTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAAGGACCGTTAATTTCCGTTAATATAT
GAAGCAATTTTGAGAGCTACAAGAAGCTAAAATGGTTACAGACCAAGAGCTTTCTCAAGCTATACAATGTCTT
CTTCGCGACTCTGCTTCTCTACAAACCCTAACCTTTTTCTTCTTAAACGCTGTTGTTTCAGGAGTTGCAGACC
AAGCTTGGTCTTGACCTCTCTCATAAACTCGATTTTCATCCATGCCAGATCCAATTTATCCTTCGTTCTCATCCTC
AACAACCCCATCATCACCAACATCACCACCACCACCACCATCAGCAGCAGCAGCAGCAACAACAACCTACCCTCT
TCGCAGAAAGACCTCTTTGCCCTTCATCAAAGCCCTAATTTTCAATCTGCGCCTTCCCCACTTCCTCTGCATTTT
ACACTTTCACTGCTCAGCCTCCGACGGCTAAGGCGGATTCCGTCGTTGCTCCCACTGTTCCGGGCTCTGACCCG
CCAAAGGAAAGTACCCAAACCAAACTAAGAGAAGAGGAGGCCCGGGGTCTAAACAAGCCTTGTTGGTGT
TTCTCTGAATTCAGGCTATTGTTGGCCAACCAGAATTACCGCGAACTGAGATAGTGAAACAGCTATGGGCA
TACATCAGAAAAACAACCTACAGGATCCAAGTAACAAGAGGAAAAAATATGCAATGATGAGTTGCGGTTG
GTATTTGAAACAGACTGCACTGA

>trans_s_3278 AF361833|Arabidopsis thaliana At1g26110/F28B23_21 mRNA, complete cds

CGCTTTTTCTTCAATTTCTGCTACTTTGCGCTCCCACTTAACCCCATCTTCCAAAACCTACTCTCTTTTTCTT
CAGATTTGTTTCCCGGTCGGAGTTTATGGCTCCGAGAGTGCTTCCAGATCCAGTTCAGCCGCCGATTCATATA
TTGGAAGCTTGATTAGCTTAACCTCCAAGAGTGAGATTAGATATGAAGGTGTTCTTTACAATATCAACACCGAA
GAGTCCAGTATCGGACTGAGAAATGTACGGTCATTTGGAACCGAAGGGAGAAAGAAGGATGGACCACAAGT
CCCACCAAGCCACAAAGTGTGTTGAATACATCTTGTTCGTGGAAGTGACATCAAGGATCTACAGGCCAAATCT
TCTCCACCTGTTCACTACATCCTTGATAAACAACGATCCAGCTACTATTCACTCTACTATCCTCCTCCAGCAT
CTACCTCTTCAAGCTTGCTTCCCCCTGTGAGTGGGCCTTTGCCTCATATTAATTCTCAGGCCATGCCAATGGGAA
TGCCAGGATCTAATTTCCAGGGTGGGTTGCCTTTATATCAACCTGGAGGAAATGTAGGGTCTTGGGGAGCTTC
TCCTACGCCACCTCCACCAAATCCAAGTGGTGGTGGGCTTGCTTTGCCAATGTACTGGCAAGGGTATTATGGC
CCCGGTAATGGACTTCCTCACATGCATCAGCAATCGTTACTTCGTCTCCACCTGGCCTGTATTGCCTTCTTCC
TTGCAGCAGCCACTGCAATATCCTAATCTTAATGCTTCTTTACCAACTGGTGCACCAAATTTTATTGGAGTTCCA
TCTTCTTTATTCT

>trans_s_3279 NM_001049666|Oryza sativa Japonica Group Os01g0500900 (Os01g0500900)
mRNA, complete cds

ATTCCCTCTTCTCTAAAGAGTGATGGCACCAAATTCGGTAAATCCGAAGACGGTGCTATTTGGCTTTCGCCGT
CGATGTTATCTCCATACAAGTTTTATCAGTATTTCTTCACTGTTCTGATGCTGATGTGGTGAGGTTTCTTAGAA
TTCTCACATTTTTGGATATTGAGGAGATTCAGGACTTGGAAGCCAAATGACGAAACCTGGGTATGTTCTTAA
CACGGTGACAGAGGCGGCTGGCCGAAGAAGTTACTCGGTTTGTTTCATGGTGAAAATGGTTAAGTGAGGCCCT
TAAGGCTACTGAAGCATTGAAACCAGGAGCAGAGACAAAGTTGGATTGGAAGACTATTGAAGGGATTGCTG
AGGATGTTCCATGCTGCTCGTTGGAGTATGATCAAGTGTGAACTTTTCGGTTGTGATCTCTCAGTTACGACT
GGTTTGCTGAAAGCAAGTCGGCTGCCCCGTCGGTTACTGAAGCAAGGGGCACTTTATTTGAATAATGGTAGA
GTGGATTCTGAGAGTAAAGAGTTGAAGCTGTAGACATTATTGATGGAAAAGTTCTACTTTTATCGGAAGGAA
AGAAGAACAAGGTGGTTGTAAGGATATCATAACAGAGCGGATTCAGAAACAGCTATTCAATCCCTAACCAAC
AAGTCCTTCATTTTTACTATTATTTTTGGGTGAATTTTTTGGTAACTATTTCAAGTTCATAGTTAAGTCCCAA

TCTTCAAATTGATGTTTATTACCTGTTCTAGAGTAGTTTTGAAACGGTTTAGACCACTTTTGCCAACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3280 AY935269|Antirrhinum majus plena (PLE) gene, complete sequence

CACTCCCCCTCNAAGTTGGGACGTAAATATCAATGAGTCCCACTTGCTAACACAAAGGTCGAAGTGTGGTCT
GAGAAGCCCCCTGGTAAGAACATCAGCAATCTGTTGGCTTGAAGGAATGTACGGAATGCATATGCTTCCACTA
TCAAGTCTTTCTTTGATGAAATGCCGATCAATCTCAATATGTTTAGTTCTATAATGTTGAACTGGATTGTTAGCA
ATACTAATAGCGGCTCTATTATCACAAAAAAGCTTCAATGGTGTCTCACATTCTGATAGAGATCTGACAAGAC
TTTCTGGAGCCAAATTTCTTACATATTCCCAGACTCATAGCTCTGTATTGAGCCTCAGCACTACTCTGGCCAC
AACACTTTGCTTCTTACTCTCCAAGTTACAAGATTGCCCCAAACAAAGGTACAATAACTGGACGTAGACATTC
TGAATATAGTAGAGAATTGTTTTGGCAGATCGTTATCTCCTTGCTGTCCAATTTAATGAGAAAATTCTGCATGG
CACGCGATAAACCTTGATTATAAAGGAGAATTGTGCTAGTGGATCTTCATGATTTTACCCTACTTATGCAGCCA
TCAGAAGCAGCGTTGAAAGCTAATGATTCATCTGGAAGCAACAATCTAGCATCGCAGTTCCAGATGAACTT
CAAGTCTTAGAGTAGACTTATCAACATCGTGCAACGAAGAATAAAAATTAGGAGATTATTCGAATGGGGCG
CAAATTAAGTCTAGAAACGGCATCTTGGATTGGAATTGAAAATCCAGCAAAACCCTATTGAATTCCATACCCA
GGGATGGAGCTTCGACCAT

>trans_s_3281 XM_002328888|Populus trichocarpa shikimate kinase (SK1), mRNA

TGATGAAAAGGGTTTTTCAGGCGTCTGAGACTGAAGTGTTAAAACAACATATCGTCTATGGGTCGACTAGTTGTG
TGCACTGGAAGTGGTGCCGTTCAAAGCTCTACTAATCTGGCGCTTTTGAGGCATGGCATAACATTGTGGATTG
ATTTACCCCTACAGATGATAGCAGAGGAATTTGCTGAAGATCGAAGTCAACATCCAGTATTTGATATATCTACT
TCTGGATCATATTCGGAGGTGCTGGGTCAAATAACTTCCATCTATCAAAAAGTAAAAGACGGCTATGCCACGG
CTGATGCATTAATATCACTCCAAAACTAGCGAGCAAGTTAGGATATGACGACTTCAATGCTGTCCACAACCGA
AGACATGGCAATGGAGGCTCAGAAGGAGATAGAAAACTGACGAGAGTGAAGAAGATGATCGAAGCAGCA
GCAAAACCTTTTTAACAAAAAGGAAAAACAATGCAGCTTGTCTTCCATGGTGCCACATAAAAAACAACAATTA
AGAGTCCTAAGGGTTGAAAAACCTGATGGGTAGCTCTCTTAGGCCTCTGGAAAGTCGCCATTCTGGTCGGAGC
AGTGTAATAACCTCTTTCTTCTCTATTGTCGATATTGATATCAGTATTTAATTTTACGTTTAGATCTTTGATG
AAATATGGTTTTGAATTAGGTTATGGATCTTGCTAGTATGCATATTCCCATGTCTTTGGATTAATAGATAGTATT
TTTATCATGTCACTGCAAGATTTTTTATTGTATCGATGAAAATAAATGTCAGGCCAAAATTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3282 AB573724|Lupinus albus LaMYB-CC5 mRNA for MYB-CC transcription factor, partial
cds

AGTATTGATATTACAGAAGCCCTACGTCTACAGATGGAAGTTCAGAAAAGGTTACATGAACAACCTCGAGATCC
AACGAAATCTACAGTTAAGAATAGAAGAACAAGGGAAGTACCTTCAAATGATGTTTGAAAAACAATGCAAGT
CGAGCAATAAACTGAACAAACCATCCACGTCCACATTGGAGGATTCTCCATTCTCAGATTCAAGTGCTGGAAAC
TTCCCAGGTGGAATAATCGCACAGTTCACACTGGTCCATCTGAAGCTGACTCGATTGCTGGAAAGGCTACTGAT
GAAGTAGTTGAGAAGTTCATAGATCCCCAAAAGGATGCCCCAGAGAATCCGAAGTCTGATGTTTCTGAAGCTA
GCTTCCAGCTATCCAAGCGCCAAAGGACAGAATGAGTAGGCTATGGTTTCTGCATTTTCTGTCTTTGAATTGT
TTAAAGAGTATTGAATTTTCAAATGCCAGTGTTAGCTTGCGGGAAAGGGTAGTCCTTGGTTTTGGCTTTGAGA
ATCACATAGGCATTAGATATATATGATCTCACATTCTAGTTTATAAGCAAGCAAAGCACTAGCCAAGTTTTGG
TAACATCATTCTCTGTACATTGAAATTGTACACTCAGTTGCAACTTTAGCTTTCAGTTGCTTCTGTCCGCAACT
GTTAAGGTTGTTCAAGTAAGAATTTTCTATCACCATTGTGTAATTTATAAAGTCTCTTCTCGAGAAGATATCT

TTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3283 NM_129053|Arabidopsis thaliana ATO1 (Arabidopsis thioredoxin O1) (ATO1) mRNA, complete cds

ATCCTCAATTTCCGCGAACCGGCAGAATGGGAAGAAATTTAGTCCCTCAGTGGCGTCTACTACGTCGAGTTCT
CCACGACGGCCGACTCCGAATCCATTTTATCGCAACTATTCTACCTTCAGTCGCTCTGGAACAAATCTTGGA
GCTCGTCATCACCGTCGTCTTCGTTGTCCAAGTTCCTCTTCAGCTCCTCCAGTTCCTCCCTTCGCCACGCGCCGG
ACTTTCATTTCCCAAGTGTGCCTTTCATCACTGTGCTCTCTATGCTCAGCGTCAGATCCTTCGAACATTATCTT
GATAAAGTCTGAAAATCTATTAAAGGAGTCACTAAGCAAAGCACGAGAGGAAGCTTGGCCGCAATTTTCTAC
TTCACAGCTGCCTGGTGTGGCCCTTGCAGATTATTAGCTCCCGTGATCAAAGAATTGAGTAAGAACTATCCTGA
GGTGACAACATATAAAATTGACATTGATCAGGAAGGCCTCGAAAGGACTTTGAATGACTTAAATATTACCTCT
GTGCCAACACTTTATTTCTTTCAGGATGGCAAAGAGGCTGGGCAAATTGTCGGTGCCGATGTTGCAGGCATAA
AAAATATGATGGAGAAGATTTACAAAAATGACCTAACGTGTTTTGCTTTATCCCATTTCAAAGCAGGTTTAC
GACTTGATGACATGTAGATTCTGAAATTTACTGTTGGTATTTCAATTTTACATTGTTACGAATTTGATAACCTTC
AGAATGTGATGACTAATAAGAAGTTGTGAACAGGTCTGTTCTTTCATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3284 AF464906|Glycine max repressor protein (Dr1) mRNA, complete cds

ACCACACCACCACCTCCTTCGCCTCCTACCATTCCGATCGTCTCCAATCCCTGGGATCGCCGTCGTCAATTTCCG
GTTTTGTCTATTCCGTTATTTAATTCCTTCTCGGACGCCTCTTGAAGTTTCGGTATGGAGCCGATGGACATAGT
TGGAAAGTCTAAAGAGGACGCCTCGCTTCCAAGGCGACTATGACCAAGATTATCAAAGAGATGTTGCCCCCT
GATGTACGGGTTGCAAGAGACGCTCAAGATCTTCTGATTGAGTGTGTGTGGAGTTATAACCTTGTATCAT
CAGAGTCTAATGAAGTTTGTAGCAAAGAAGAAAAAGAACAATTGCACCTGAACACGTGCTCAAGGCTCTTG
AGGTGCTTGTTTGTAGTGAATACATTGAGGAAGTTTATGCTGCATATGAACAACACAGGATCGAACTATGCA
AGACTCATTGAAAGGAGGAAAGTGGAGTAATGGAGCTGAGATGACCGAAGAAGAAGCTTTGGCTGAGCAAC
AAAGAATGTTTGGCGAGGCACGTGCAAGAATGAACGGCAGTAATACTGCACCGAAGCAACCGGAGCCTGAG
CAAAGTTTAGAGAGCTAATTTAGGATCTTATTTCTTCAACCATAGGCAAGATTCCTTGACCCCTTCCATTT
GTGCCTCAAATATGCCTTGTGCATATGTACAAAAAGAAATGATTAACCTAGCTACTGGGCTCTGTGAAGATG
CATTGTAATATATATCCATATTTGCGGATCCATGTTTAGTTATTAATACAAGTAGTGACTGTTTAAATCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3285 AY126988|Arabidopsis thaliana At1g10890/T19D16_19 mRNA sequence

AAGAAGACTTTGGTTCTTTCACCTTTGCTTTCCTATTCCCTATTCCCTATTCCCATTCCAATCGGACCGACGACG
AAGAACGGAAACTGGGACAGGGAGGAGCGATTCAATTCGGATCACCTCTTCTTCTTCTTATAATCCCCATC
CTCGGAGATACCTTCCACCAGATTCTCCTCAATTTGGATTCCAACCTCATCAACTGCGATTTGCGGTAATACATA
CATAGTGAAGATTTGTCCTTCTTGATACAAGATGCCTCGGGATTTATCACGATCTCGATCACCTTTGTATAGGC
GGAGGCTTTCGCCATCTCCCTTAGGGCATAGGTATTCCAGGAGGAGTCGGAGAGACCGGAGCCGTTACCGT
ATTCTTACAGCAGAAGAAAAAGTCGCTCAATTTCTCCAAGACGTAATAGAAGTCGTTACGAACACCAAGACA
CCATAGAAGTCGTTCTCCAACCTTCAAGGAGTTATAAGAAGCAGAGACGACGAAGTTCCTCATCATCTCTGCAT
CGTAGATCTTCTAGTTCTAGCCTCGGATCCATTGAGCAAAAAAGTACCAGTGAAAAATTGAAAAAGGAGGAA
GAAAGAAAAAGGCGACAACAGGAGTCACAGGCCAAATTGCTTAAAGAAGAAACGAATAAGAGAGTTGAAGA
AGCAATTCGAAGGAAGTTGAAGAGAGACTGAACTCTGATAATCTAGAACTGGATATAACAAGAAGTTGGA

GGAGGGACGGACACGGCTTAACGAAGAAGTGACCGCTCAACTTGAGAAGGAAAAAGAAGCTGCCCTTGTTG
AGGCCAGACGGAAAGAGGAACAAGCT

>trans_s_3286 AB500144|Nicotiana tabacum NtTPP mRNA for trehalose 6-phosphate phosphatase,
complete cds

ACCTCCCTTCCTTTTCCTTCCTGCATCAAGATTTTTCTTTCTCTTTTCGCTTCATTTCTTTCTTCTGTCTTCTTCCC
CATTTCCGGTTCTTGTTTTCTGCATTTCCGCCACATTTCTCAGGTAGTACTTCTCCACGGTTTCTTTTCAGATTGT
TAGGAAGATGACAAGATGTTTTGTGCTTGATGGATCGTGTGCCAAGTGGTAGTGATAAGAAAACATTGAAAA
AGTGGTTTTTTATTGATAAAAGAGTTGGTTAGAGGACATAAGTGCGCTTATTTTTGTGAGTAGCAAGTAAAA
TTATAAACCTATACATTTGAATCAACCTCTAAATCGGATCATATGGATCTTAAATCGAATCACAACCTCTCCATA
CTCACCGACCCTGCGCCTATCAGCAAGTCTAGGCTCGGTGTGCATTTGAATATGTTGCCCTATGCATCTGCTCC
AGGAGTTGGTTTCTCGCCAAATATGCTTCTAATACCCAGGAAAAAACTGGTGTGCTTGATGATGTTCCGAGCA
AGCAGCTGGCTAGATGCTATGAAATCTTCATCTCCTCCTCTAATAGGATTTCCAAGGACGATGTGAATGAGCT
CTCATATTGGATCCGGATTTTCTGTATCGCAATTGGATGATTAAGTATCCATCAGCACTTGCCTCATTTGACCA
GATCGTACCGCATGCAAAAGGAAAGAGAATAGCACTATTTTTGGATTATGATGGCACTCTCTACCAATTGTA
GATAACCTGATGGCGCTTTCATGTCTGATGCTATGCGTGCTACTGTAAAAGAGGCTGCAAAATATTTTCCAAC
GGCTATAATTA

>trans_s_3287 NM_100452|Arabidopsis thaliana selenoprotein family protein (AT1G05720) mRNA,
complete cds

AGAAGTTAAAAATTCGTCTTTGTAGAGAGAGTTTTCCAATCGTTCGTAGACTTCGCTTTTTACCCTCAGTCGC
CGGCGACAACAGAGATGCAGCTTCTCCCCGGAGTATGGAATCCCCTACGGCGGTGACGGTAACGTTAGCTG
CGGCGCGCATATTTTCATCTCGTCAATGCCGTTGGCTTGGTCAAAGGAGCAACTCAGCTCGAGGGAATGTGA
GGATCTAGGTTTCACCGGCCTTGCTCTCTGTTCCGATTGTCACACTTTAGCTGAATATATCAAAGATCAAGAAT
TAGTGGCGGACTGTTTGAAGTGTTGTGCAGAGGATTCTGATGACGCCACGAGTAAGATAACTTATTCTGGTGC
CGTGCTGGAGGTCTGCATGAGGAAGCTAGTCTTCTATCCTGAAATTGTTGGCTTCATCGAAGAGGATAAGGAT
CAATTCCCTTCAGTTAAGGTTCAATATACCTTCAACTCTCCACCGAAGCTGATTTTGCTGGATGATGAGGGCCA
GCATAAAGAAAGCATCAGGATTGATAATTGAAACGAGAACATTTTTTGCAGTTCTGCAAGAGAAGGTTAA
GCGATCTTCCGCAATTTAAGGTTCTTTCACCTTTTTTTTTTTAATATAAATTTTAAATTACAACCTTTAATCAATG
TAAAAAACTTCTTAGAATTTGAATGAACTATTATCGGCCATAAAAGAAAAAAGAAAGAAAAAAATTGA
GGTGAGTGAACACTGGATTTTGTGAATTTCAAGGTTAGTAGTGGAATATAAATGATTTCCCTGTGAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3288 AY105543|Zea mays PCO101093 mRNA sequence

ATTGCACAGCTCGAGCTATGGAACGAGAGGGCATCAGGAAAGTATGAGAAGAAGGTGTACGTGTTGCCAAA
GCACCTCGACGAGAAGGTGGCTGCACTTCACCTGGGCAAACTGGGGGATGATTTGACACTAGCAGCAGAACT
TGCAAGTGAGATGTGGAGTGAGAACTTAATGTTGAATTCCTGGTCAATAAAAGAGTGATGAAACATATCGA
TCGTGCAAAAGAGTCGAGAATCCCTTGATAGTGTTTTTAGGGGAACGTGAAGTGAGTGAAGGGATTGTGAA
GTTGAAAAACGTGGAAACCTTTGAAGAAGTAACAATTTCCAGAAGCGACATCATTGAAGAACTCAAGAAACG
CCTACCCCCCTGATCGATAAACTGCTATTGCAAAATGCAGAGCTGGTCTTCTTCAATCTAAAATTGGAAACTA
TTTTTGAGACAAATTTTTTTATACCGATTAATACTCAAGTGTTAATTTAAGAATTTTAGTGTGGCTCACTTT
TCATTTGGGCTGTGTTTGACAACCTTAACCCATTTTTGTTTTATACTTGTTGACATCAGTGGCTGAATTCCTTCT
TTTCTTGGTTGTTTATTCTGTATCACCATTGATTAGAATGGAATTCTATACACAATATTACGACAAGATGCTTT
TATTATTGATCGGATTTCTATTACACAATTTGCTTCGATTTCTAGGTTTATTGTTCAAGAAGAATTGGAAGAAT

TTCCACAAGGGATTAGTGGTTATTGAGATAATTTATTGAAGTTCACAACTTTATAGGTTGCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3289 NM_127618|Arabidopsis thaliana RPN1A (26S PROTEASOME REGULATORY SUBUNIT
S2 1A); binding / enzyme regulator (RPN1A) mRNA, complete cds

AAGGGCTTGACATTTGGGGAAGGGCCTGTAACTCTGAATCCTTATCATTCTGACCGATTCTTATTGGCACCG
ACTGCGCTTGCAAGGATTAATAATTACGTTGCATGCATGTCTTGACATGAAAGCCATTATCCTGGGGAAATATCA
TTATGTTCTCTACTACCTTGTCTTGGCAATGCAGCCGAGAATGCTGTTGACTGTGGATGAGAATCTTAAGCCTC
TCTCAGTACCTGTTCTGGGTGGGTCAAGCTGTTGATGTCGTTGGACAGGCGGGTCGGCCAAAGACAATCACTG
GTTTTCAAACCTCACTCAACCCAGTTCTTCTTGCTGCTGGTGACAGGGCAGAACTGGCAACTGAGAAGTACATT
CCTCTTTCGCCAATCCTAGAAGGATTCGTTGTTTTACAAGAGAACCCAGAATATAGAGAGGAACAGTAGCAAG
CCATTGTAATTAGAGGAATGGTTAAATCACTGCTGATTGATATCAATTCTAACCAGCATGTTGCTGGACGGCA
AAAAACATGATGCAGGATGCGGGGTTTCGAGTTTAGTTATGGCCATCTTAATCTCATCCGAGCAGTGC GTTGT
AGTTTTGATGAACAGCCATGAGTTCGGA AAAATGTGCTTGAATTGATCTAATTAATGTTTTCATGGTGTCTTA
TTAGTTCCATTGACTCGGGATCTTTTTGTATTTGATTTTTTTTGGGAATAGAATCTCTATTGCTTAGTCTAAT
TTGATGCAACTTCGATGTTGATTGCCCCACCTTGGCATGATATAAAATTTTATCAATCTTTTTACAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3290 Novel Gene

ACAACCAAAACAAGTGTGATCAAACAAGGAAAGAAGCTATAAACTCATAAAAAGAATGTCTCTAATCACAGA
AGAGATCAAAGCCAAAGCTGATGAGCTCTACTATGGAGATGAGATGTGCCAAATCAAATCAAGGGAGCTGCT
CAAAGAAATGGATCTTCCAAATGGGCTGTTGCCAATGAAAGACATGGAGGAATGTGGGATTGTGAAAGAGA
CGGGGTTTGTGGCTGAAGCAGAAGAAGAGCTATACTCATAAGTTTAAAGACATTGATAGGTTGGTTACTTA
TGGCACAGAAGTTACAGCCTATGTGGAGAAAAACAAGGTTAAGAAGCTTACTGGAGTTAAGACTAAGGAGCT
CATGATTTGGCTCCCACTCTGTGATATCTATGTTAATCAACCACCAAACGGGAAAATCACGTTCAAGTCTACGA
CTGGACTGCCGAGAACTTCCCTGTGTCAGCCTTTCAGGTTGAAGAAGACGTCAAGGTTGTGGGAGAGAAGG
AGAACAAGAGAAGGAGAACAAAGAGAAGAAAGTAGTGAATGGAGCCGAGCTGCTGCAGCTATAGAGGT
GAAGGAGGTCTGAGTTTAGTTCTTTAAATTTCAAGGGGCTCTCTCTTCTTTACTACTGGTTTGTGTTTGGC
TCAATATGTTGCTATATGTTCTTTTTTTCTTTTTTATGTTGAAAGTTTGTGTTTATTGAATAAAAATTGGGTAT
GAAGTTTACGTACTGTAATCGTGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCGCCCCGCCCTC
AAAAACTTATCAATAACCGTCAACCCCCA

>trans_s_3291 EU823320|Arachis hypogaea acyl carrier protein 3-2 (ACP3-2) mRNA, complete cds

AGGAATTGAGTAGTCACTGCAAGAAGAGAATAGTTCGAGAAAAATGGCGCTGAGGGCAGCCGTTCTTCGCCA
TCTTCGTGTTCTGTCCAATTCTCTGCCCTAGCTCGCCGGGAATGCCAGCCGGCGCCGTGTTCCGATGGTTATC
TCCGGCTGTTTTATCCCACGACGATCGCTCTACAAAGGAGGAGGTCACTGAGAGAGTTCTCTCGGTTATCAA
GCGTCACACGAAAGTCGACCCCTCCAAGGTGAGCCCTAATGTTCAATTCCAGAAAGATTGGGTTTAGACAGC
TTGGACACTGTGGAGATTGTAATGGCCTTGAAGAGGAGTTCAAGCTAGAGATACCAGACAATGAGGCTGAT
AAAATAGATTCTGTGATCTTGCAATTGAGTACGTATACAACCATCCAATGGCTAATTGACAAAGTACTAACAT
CTTTCTCTTTATTTATTCTTTCCGTGTTTTTGGAGTATGTTATTCAGTGAAAGAAATTTTCATCTCAACATTGTTTT
CTGACCGTGCTTGGGTGTTTGTGAGAGTCGCAATCCTTTACACTGTGGTGAAAATAATTGTAAGTGCTTGA
AAGATAACACATTCTGCCTCAACAAATTTGAGGGCCTAGAACGGTCATAACTTCAATCTATTGCTATTCTATGT
GGTATAAAGGATTTTGCATCTTAACATCTATGGGATCTTTTCATCTGCATATATGATTTTCCTTGTGACCGAGA

GGAGCTTAGAATCTCAGCTCTGAATCTCAAGGATATTCAAATTGATTGCTTTGAAAGTTATTTTCTCCTACACAC
CCCCTTGTATATATTA

>trans_s_3292 XM_002882174|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata regulator of chromosome
condensation family protein, mRNA

ATTTGTTTCCTTTTCTTGCATCTTTCTTCCATTTCAAAACTTTCTTCGCTGATTCTTTTCCTCGGGTACTCCCTTT
TTCTTTCAATTTTCCCATCGTCTTTTCACTATCTGAATCCATCAACCTTACGGGGCAAGAAATGGACATTGACGA
TATTTTTGGGATGACCCAGAACGTAAGCTTGCCAAGAAAGAGTGCGATTTATGTTTGGGGTTATAACCAATCG
GGTCAAACGGGTGCAAAGGGGAAGGATCATCAATTAAGGGTTCACAGGCAACTCCATCCTGATCTTTTGGAT
GCCCAGGCGAAATTAATTCTCGCTGGTTGGATATTGCTTGTGGTCGTGAACATACGGCAGCTGTGGCTTCTGA
TGGGTCACTTTTTACTTGGGGTGCAAACGATTTTGGCCAAGTGGGTGATGGAACAGAGGAAAAGAGCAAAC
TCCAAAGAAAGTGAATCAATTGCAGGGCGAGTTTGTGAAGTCTGTTTCTGTGGAGCACGTTGTACTGCTGCT
ATTGCTGCACCTCGTGAGAATGATGGCACCTTTCACTAGTCGACTCTGGATTTGGGGACAAAATCAGGTTTT
AATATATTTATTTTAAATGTTGATGTTCTTTTTCAAACCTCTCTTCATTTTCAGCTGCTCCTCTCTTATCACAGGA
TCCAATTCTCCACGCTTATTTTGGGGAGCCTTCACACCACAAACGATTATTCGTCAAGTGTCTGTGGGGCAGT
TCATGTGGTGGCATTGTCTGATGACGGCCAATTGCAAGCTTGGGCTATACATGGGGACTAGGTAGTATGGGT
CAACTTGGTCATTG

>trans_s_3293 FJ489609|Jatropha curcas 60S ribosomal protein L18a mRNA, complete cds

CTCAGTAATCAGTTGGGAAGTGAGAGATCGTTCACAGAGACTTCAACAAGCTTCTCTTTTCTCCAAGATGGT
GTCTTTTAGGTTTCACCAATATCAGGTTGTGGGAAGGGCTCTTCCATCTGAATCAGATGAACACCCTAAGATTT
ACAGAATGAAGCTCTGGGCTACAAATGAGGTCCGAGCTAAGTCCAAGTTCTGGTACTTTTTGAGAAAGTTGAA
GAAGGTTAAGAAGAGCAATGGACAAGTTCTTGCTATTAATGAGATCTTTGAGAAGAATCTACCAAAGTCAA
GAACTATGGCATCTGGCTGCGCTACCAAAGCCGAACTGGGTATCATAACATGTACAAGGAATATCGTGACACC
ACTCTCAATGGTGTGTGGAACAAATGTACACCGAGATGGCTTCTAGGCACAGGGTAAGATCTCCATGCATTC
AAATCATCAAGACTGCTACCGTTCCTGCTAAGCTGTGCAAGAGGGAAAGCACCAAACAGTTCCATGATTCCAA
GATCAAATTCCCTCTGGTGTTCAGAAGGTTAGACCCCAACCAGGAAGCTTAGGACCACATACAAGGCCTCA
AAACCAAATCTATTCATGTAACTCTTCCTTCTCTATCCCCTCAGCAAAGAAAATGGATTAGAGTTTTGGTTTAA
AAGTTGAAATTTTTGGTAGATTTTAACTGTCACTTCCTTTTGTACCAATGAATGTTCTAATTTTAAATTGAGG
ACTTCAAATTTTGTGTTGGGTTTTCTTTTCTGCTCATTCTGGAATTGTTTGACTTTACATGAAGTATTCTTT
AATTGGGCTTATTTCAA

>trans_s_3294 NM_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)
mRNA, complete cds

AATTTAACTCCATCTCCAACTCCATATCAAATCCCAAAACACAACCCACATAGTTTTCAACAATGTCTACAAA
TGCTCTTAACGATCACCATGTCCAGCCCAAGGTAATTACATGAGTGAACAAGAAGCAAATACTTTGATAAAA
AAGTATGACAAGAATGGTGATTCAATCCTGACCAAAGATGAGCTAACTGCTTTGATCATGGAGCAAGCTGCTT
CTCACCATCACCAACAAGTTAAGCCTCAAAAGGTTGAACCTAAGAAGGTTCTGATGAGAAGGCCTCTGGTGG
GCCATACAAGATGAGGCTTAGTAGAGATGAAATGAGGGAGATTTTCTTAGAGCACGATATTGATGGTGATGG
TCATCTCACTAGAAGTGAGCTAATAAAAGCTTTTAAACATGTGTGGTTCCTTGAATTCATTTAGTAAAGCTAACT
ATGCTTTGAATTTGGCTGATGCTGATGGAGATAACTATATCAGTATGGATGAACTTGAAAAAGTTCTTGATTAT
GCTGACAGAGTAATCAACAGGCCCAAGAAATGAAGAGGTTGTAAATTTATGTAATCTATGCTATCATCATATT
ATATATCTAGTACTCATTAAGAAAACTAGAACAAAGAGTTTGTCTTGCACTACTCATGATCAACTCTTACTAT
ATATATATTGCTACTCTGGTGTATTGTTCTGTGTATTGTGTCATGTTATCGTTTTCTAATATAAATATTTCCCTATTT

ATAAATATTTACATGAGGAATTAATAAAGATGTTCTCTCTTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3295 NM_001056540|Oryza sativa Japonica Group Os03g0329700 (Os03g0329700)
mRNA, partial cds

GACATGTTTCTACTCAAGTCAAGGGCACAATGGGTTATTTGGATCCTGAATATTACATGAGTCAACAGTTGAC
GGAGAAAAGTGACGTGTACAGCTTCGGAGTAGTTATGTTGGAATTGCTAACTGCCAAGCTGCCAATTGAAAA
AGGAAAGTACATAGTTCTGTGAGGTGCGTATGTCGATGAACAAGAATGATGAAGAATATTATGGTTTGAAGCA
TATACTGGATCCAACCATATTTGATAATACGGCAAATCTTATTGGGTTTCGGAAAGTTCTTAGAGTTGGCCATGC
AATGTGTTGAAGAAGTAGCTGCAAATCGTCCCAATGAGTGAAGTGGTTAAGGCAATTGAGAAGATTTTGC
AGAATGATGGAATAAATACAAGTTCAACATCAGCATCCTCATCTGCCACAGACTTTGTGACTTCCAAAACCTCT
TCTAGACATCCTTATAACGATGCTTCTCAGAAAGAGAGCGTCAACAAGAATAGCCAATGAATGGATGATGAAC
CAATGTAGAACTATCACTGTTTTGTTTCACGGAGTTGTAACTTGGGAGAAGTTATCACTAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCC
CCCCCCCCAAAAAATTTTAAATCCCCCCCACCCGGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCTTCCCCCTATAGGGGG
TTAATTTCCCCCGCCCCCGGGCCCCCTTTT

>trans_s_3296 AY883445|Zea mays cultivar CIMMYT-URGII teosinte glume architecture 1 (tga1)
gene, promoter region

TTGGTCGCCGTCTCCGATCAGCACAATTTTTCACGCCAGATTTTGATAAAGAAAGAAAGATGATCAGAAGAAA
AATATCGAAATCGATTTGGAATTTGTCTGGTCTGAGCAGGTAAACGTTTGGATTTGGGTGACTCATGGGTTAGA
TTCTTTGGAGGTCCCTTTGATGTCCTTGAGATTGACTTTGAGTATGTTTCAGTTATTTCAAGACTTCTGAAATTT
TGCACTTGCTATGTTGGAAATTTCTCTTATTGAAGTGCTGAGTGCTTACTTTTTCTCTTTTCATAGCTTTAT
GGCCATTGTTATGTTACAGCGATTAGGAAATTTGCATTGGGATTGAACGTTTCATCTTCGATTGTGGTGTTCGAC
TTCCCTTTTCTCTATTCTTTTGTGGTGTAGGGTGAATTTTGGCTTTTGTAGTCAAAGGCTATGAGATTGAGTAC
ATGGCTTTAAGAGAAAGGGATCTCACATTTGATCTCGAAATGGGGGGAAGATCGTTGAAGAGGATGGAAG
TGGGGAACCGAGTTCAACCAAAAGAGATGTAAAGAATATTTGGAGTAGGTTGACAGAGGATTCACTGCTAAA
AGATGAGCGAGCCATAGCCTCAAACAGTAATTTTGCTAATACTGTTGCCGACATCATTGCTGATGAGAGCTTA
GGATTGTTGATAGATAAGAACTTGGAAGGAGAAGATGATCATGAAGTTTTTGCGCACATGGAGAAAAGTAAT
GCTAGAGGGAAGCATAAGAATAAGAAAAAGGCTCTGAAACCACCACGGCCTCCCAAAGGTCCTTCACTTGAT
GCCGCTGACAGAATGATGGTGA

>trans_s_3297 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

TTGCTACCTATGATCTATAGACATATATAGCACCCGTGCAAGTGCTGTAGCTAACGCGTTAAGTATCCCGCCTGG
GGAGTACGTTTCGAAGACGGAACCTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTTT
AATTCGATACAAAGCGCAAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGGT
AATTTCATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTGCTGCTGAGATGTTTGGTCAAGTCCTATAACGAGCG
AAACCTCGTTTTGTGTTGCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGCAACCGAAGTTCGCCGAGGAGCC
GAGTGAGGTGCCAGCGCGACTAATTGAGTGCCACGTGCATCTGACACTGTCAGTCAGAAGGGAGCCTTATCC
TTTCGAAGGAAGCACTTTTCGAGTGTGCGCTCTATAGCGCGCTTTACTAAATCGGCATTACAGGCGAGCCACCCG
GTGGTGTGGTACGAAGTGGGTTTAGTACGCCCTGCCAAACGGGTCCTCACTATAGTGAAAGGTGCGTGCCG
CACTCACGAGGGACTGCCAGTGAGATACTGGAGGAAGGTGGGGATGACGTCAAGTCCGCATGGCCCTTATG
GGCTGGGCCACACACGTGCTACAATGGCAATGACAATGGGAAGCAAGGCTGTAAGGCGGAGCGAATCCGGA

AAGATTGCCTCAGTTCGGATTGTTCTCTGCAACTCGGGAACATGAAGTTGGAATCGCTAGTAATCGCGGATCA
GCATGCCGCGGTGCGCGCGTACGCAAATAAGT

>trans_s_3298 AY372539|Cucumis sativus signal recognition particle receptor protein mRNA,
partial cds

TTAGCTTCATGATAGTTGCTTGTGATACATTTAGATCTGGAGCCGTGGAACAGCTTAGAACTCATGCTCGTAGA
CTTCAGATCCCTATATTTGAGAAGGGTTATGAGAAAGATCCTGCAGTTGTAGCTAAAGAAGCAATCCAAGAGG
CATCCCGCAACGGATCAGATGTAGTTCTTGTGATACAGCTGGGAGAATGCAGGATAATGAACCACTCATGAG
AGCTCTCTCAAAGCTTATCAACCTTAACAGTCCGGATCTTGTCTTGTTGTTGGGGAGGCCCTCGTTGGGAATG
ATGCTGTGCGATCAACTTTGAAAGTTCAATCAGAACTAGCTGACCTATCAACTTCACCCGAACCCAGACTGATT
GATGGTATCTTGCTCACTAAGTTCGACACCATCGACGACAAGGTTGGAGCAGCATTGTCTATGGTCTACATATC
TGGAGCACCGGTGATGTTTGTGCGCTGTGGACAGTCATATACCGACCTCAAGAAGCTCAATGTCAAATCAATC
GTCAAAACGCTTATCAAAATGAGAGGCCCGTGACAGTACAAACACTCCCTTAGATGTATTGATGATAAGATTTA
TGAGTTTGTGTTGTTGTTAAATTGTCCCTATGACCACCAATGCCCATATATAAACACACATTATTAAGTCCA
TGCACTCAGTGGTGAATGTTATCCTCTTAGTTTGTGGACTGTGGATTGTGGATTGTGGATTGTTTTTCCCCC
TCTCTCCCATGGCTTCCTCTCTTTGTATATGAAGTTGGCTACTTTTTATTTTTCCATTTTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3299 NM_102605|Arabidopsis thaliana NSL1 (necrotic spotted lesions 1) (NSL1) mRNA,
complete cds

AAGATATAAACCTCCAATTGAGGAGCTCCAGCAATTTCTTGAATTTCAATTGCCTAGACAGTGGGCGCCAGTG
TACGCTGATCTTCCTCTTGCTCCTCGGCACAGGAAACAAGCCTCTCCATCTCTCAAGTTTACTTTGATGGGGCCC
AAGCTTTATGTAAATACTACTAAGGTTGATTCAAACAATCGTCCAGTAACGGGAGTTCGCTTGTTTCTGGAAG
GAAAGAAAAGTGACCATCTGGCAATTCATCTCCAGCATCTATCAACTCTTCCCAAGACCCTTCAACTCTCAGAT
GATCTAAGCTATCGACCCATTGACGAGCCAGAGGAGAAGGGCTACTTCGAACCAAGTAAATGGAGCATATTCT
CTCATGTCTGCACTGCGCCAGTAGAGTACCATGATTCTTAATTGATGATGACTCTGCTTCTATCGTCACAAAG
GCATGGTTTGAAGTTAAGGTTATTGGAATGAGAAAGGCTTGTTCCTGAGGCTCGAGTTTTCGATGGTGGCAT
CAGCAGGGATCCGTAGATCGGACTGGGAAGGACCTTCAACAACCTCCCGGAAATCTGGACTCATCTCTACCTT
TATCAGCACAAGGTTTAGTGCTGGGTTGCATCAACCAGAAGAGCAACCAAAAATTGAACTGAATTCGGCTGTT
TATCCTGATGGTCCACCATGACTTCTAGGGCAATGAAAATGTTGAATGTCATTGATACAAAAGAAATGGTGC
GCGGTCCTGAGAATTCACCTGGTTATTGGGTGGTTACCGGAGCAAAGCTGTGCGTGGAACGTGGCCGGATCT
CTATCAAAGTGAAATACTCATT

>trans_s_3300 NM_001060208|Oryza sativa Japonica Group Os04g0584900 (Os04g0584900)
mRNA, complete cds

AAGGAGATTCAATTCCTCCCGATGTTGACCCGGAGACAATCAGGTGGATTCTGCAAACCATCCTTTTGCAAC
AACGGCTAGTGATATTGATGAAGATTTGGCCTAGAACAATGTCTACCAAAGCATGGTGTTCCTTTTCGTATT
AAGCGGAGCACGAGGCTTTCAGAAAAAGCTTGAAGCACTTCAGAGTGAACAGAACTGAATAATTTATTTA
TAGATCCTGGAAGTGTAAGGAATTTGAGAGGCCCTTTAAGTCAAATCCAAGTCAGATGAACAAGTAGAAC
AAAGTTCTTCAGATCTCCAACTGGAGAGTCAAAGCCTCCAACTCTTTTGGGGGTCAATCATCGTCCGATGA
AGCACAGAATCCTGAGGTGTAAGGTTTGTGTATAAAATAGGGATTAGCTTGCAAGTTTGTCTACTAATACACA
CCACGAAGTTAGTTATTGAGAGGCCCTATTGTATAGTATGAATGCGTGACAGACTTGTTCCTTAGGTCATCCAG
TTGTGAATCAACGATTTCTGTTGGAGACAACTTCTGAAGAATGCACTTCGTTGATTTGGGGGAATATAATA
GCTTCTTGTAATAATATTATTGGTTAGTCGGATGCTGCCTCTTGCCCTTCGCATTCATGAAATTAACGAAAAAT

TTCTACTTCTCCTACTCCTTATTTTGATGAGGGGTTTCTTAGAATTAGTGTGTATATGTGGATGAGATGTGAAAC
TTTTAATTTGTAGAATTTATTTGACCCTGTTTATTCAACGATAGGATGGGCTTGTCTGCCCAATTATGGTACAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3301 BT014745|Arabidopsis thaliana At2g40660.1 mRNA sequence

ACGACACCCTTCAACAACCTTTTCTGAAAACCTCAAAAAACCCTATCACTGGATCATCCATTCTCTCTTACCGGACA
AAATTCTCTTCACTCAGAAGCCCCAAATGGTCGCCAATGGAGGTTCCGCTTTGGGTAGGAAGCACTTAGTAGC
ATCAGCGCTGGCCAAACACTTCGCCTTAGATCATAATGCATTGATTGGAGAAAATGCGGAATGCGATTTTAGG
ACTTATGTATTAAACATCTTGAAAACCTCAAGAAATGGTGCCTCTGTGGATGATAATGATGAGGTGACAAAAT
GGATTACATTTGCAGATAGCTTTCCTGTAGATTCCAAGGCATGCTTTGACATTCTCAAACAATTAAATGAAGAA
CTAGCTCCAAAGTCTGTACTTTTGGGTAAAGGATTGAAGCCATCTGAAGCTGATGTACTTGTGTTTTCTGTACT
ACACCCTTATGTGATTGGCCTTTCAAACGCAGAGATGGAAAAGTTGCCACATGTTTTAAGATGGATGGATTAC
ATCCAGAACAAACAGAACTTTGGGGAGTTATTTCAAAGATACTGCTACAGAAATGTGAATTCATCCTCCAG
GAAACAAAGTTGTTGCCAACAAATGTTGATGAAGATTCAAATGCCAAGAAGTCTTCGCAAAGCACCAAGGTTTC
AGAAAAGCCTCAAGTGAACCCAGACACTAAGAAAACCTGATGTGGGGAAAAAAGAGAAGGAAAAAAGGAA
GCTGCACCAAAAAAGAAGAAACCAGTTGAGACTGAAACACCGGACAAAGAAAAGGAAGTTAGTGTTAGTTTG
TTGAATATAAAAGTTGGCCTTATT

>trans_s_3302 NM_001186098|Oryza sativa Japonica Group Os02g0564200 (Os02g0564200)
mRNA, complete cds

GGAGTGGACAATTTGGATCTCTATACTCGAAGAAGGAAAAGGAAATCAGAGCAAGCAATCTTCAATGGCGAA
TAAGCCTTTGGGATCGACGGGAGAGTTCCTCAGGAGGAGAGATGAATGGAGGAAGCATCCCATGCTTACCAA
TCAGTCCCGTCATGCCACCCCTGGCCTCGGCATCGCCCTCGTTGCTTTCGGCATCTACCTTGTGCGCGAGCAAG
TTTACAACAGGATCAATTCTCCCTCGTCTTCTCACCACCACCATTCCGATGCATCCTCCGCCACCCATTAACCTCT
ACCGATGCATTCTGTAGGTGAATCCAAGCTTGGAGTTCTACAGCACTCGTTCTCTTTTACCTCTTTTTTTTTT
TTTTTTTTAATGTGCAATAAAAGTAAACTTTTGTGACAAAACACTTGGAGCTTGTGAATGTTCTTGATGAG
GTTGGGATTGAAATTTCCATCACAACCTGAAATGTTTAATTTATAATCTAGTGTTCTGGCAATTCATGTTGCTC
ATGGTCGGTGATGAGGTTTTCTTTTATTCCATTAAATATGTGATTTTTAACATATGTTTCCTGAGTTAATATCTA
CCAAAATGGTGAACGTAGTTGAAATAGTTGCCAGGAAGCTTATTAGTAGTAGTACGTAGTTGAACTTAGTT
GGAAGGTCTAGTGTTTTCACTTTCTTAACCCATTGTTCCAGCAGGACGAAAATATTAGTTCGTGTATTGAT
GTATCCGTAAATGAAAGTTTTGATATCGATAATAAAATTATAAAATAAATGCTTCCGAAAAAACAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_3303 DQ336287|Vitis pseudoreticulata pollen-specific protein mRNA, complete cds

AATCCCTTTCACTTTACTCTTTATATTATCAAAAATCCTTCCTCCTCACTTCTCCTTCATCACCTCTTCTCCATTT
CAAATCTTCGAATCTAAGAACAAAAATCGAAATCCATGGCTCGACTTGTCATTCTCTTTGCTCTCATTATGCTT
CCTGCTCTCGCCGTCGCTAGCCGCCCGTCAGAACTCCGTTTGTTGTTCTGTTAAAGTTTTCTGTGATACTTGC
CTTGCCGGCTTTGAAACCTCCGCTACTACCTACATTCCCGGTGCTAAGGTCAGAAATTGAATGCAAGGACAGGA
ACTCCATGGAAGTTCGATACACTCATGAGGCCACAACAGACTCCACCGTTCTTACACGCTCTTAGTCAGTGA
GGACCATGGTGACGAACCTTTGTGATGCCGTACTAGTCAGCAGCCCTCAGGAGAAATGTTTCGTCAGTAGCAGA
AGGCCGTGACCGTGCCCGTGTGATCCTGACCCGTTACAATGGTATTGCCTCAAACGACCGTTATGTGAATGCC
ATGGGTTTTGCGATAGACGAACCTATGTCTGGGTGCAACCAAGTGATGAGTCAGTACCAGGATATTGAAGATT
AGAGAAGTGTTGAATCACTTAGTTGTATTTGTTGGCCTGTTCTGCTTAAGTAAGCTAATGGTGTGCCCCATA
TCTGGCTGGACACTGAAACGGAGTATGTTATATTGCATTCTTAAAGTCAAGATGATTAATATGTTTTGTTTATT

CACTTTATTATTGTCATCATCAGGATGATACTATGATCTTTATTTATGAATACAAAATACCCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3304 NM_001072712|Oryza sativa Japonica Group Os12g0153200 (Os12g0153200)
mRNA, complete cds

TTTCTCATGTGCTCTTTATTCTTCTCTCTCTCTCTCTATAAATTCACCAAATTCAGTCTACACATTCAGTACTCA
ACATTTATTCAATTTCAATTTCTGCAATTCTCCATGGGGAATATCTGTTTTAGAACCAACAAAGTTATGGCTCAAG
ACGACTCTTATGACAATCTTCTCTGATCAGTTCATTGAAGCTGAGAAAGTCGAGGAACAACCGCTTCGTCCT
GGATCGGCGATGGCGAAGCCGAAGAACGGAACCGGGGGTGC GGCCGTAAGAAGGTAGTGAGGTTTAATT
TACAAGAAGAAGAAGAAGATCAAGAGGACAGAAATCCGGCGACGACTCTGGAGCGGGAGTGTTGAGGATT
AAAGTGGTGATATCTCAGAAAGAGTTAAAAGAGATATTGAAGAATAGAGAGAACAATTCGTGTTTATTGGAG
GAATTGATTGAGGAGTTGAAGGTGAAAGGGAGAGCGACGACGGTTTCAGATGAAATAGGAAGCTGGAAGCC
GGCTTTGGAATGTATCTGAAGGTGAAGGTGATCTACATAAATGAATTGAAAGTTCTCTGAGATCTGATGA
TCTCTTTAGTTTTCGTTAACAAATCTGTGAAATATTAGTGTAATTATTGTATAGGTGTGTTATTTAATTAATATCA
CCAAACTGTTAGGGAATATCTGTGTGGATGTGATTCTTAGAAGGTAGAGAGTTGTGTGTTTCTTGAACAACA
ATATGCTATATAGGGTGATAATTTATACTAAGTAATTTTGTAAATAATCGTAGTTACATTTTGGAGATGCGATG
GGGATAACAGCTTGATATACT

>trans_s_3305 AF479108|Cucurbita pepo 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTTCTAAGCCCTCCTCTTTATTAGGTTGATTCTGCCAGCTCTCAGA
GGAGTTACCTAAAGTCTTCCCGGGCTCACGCCAAGGTTTTGCAGCGACCGCCGCGCCCTCTACTCATCGGG
GCCTGGCTCTTGCCCCATGGCCGGGTATAGGTCGCGCGCTTCAGCGCCATCCATTTTCGGGGCTAGTTGATT
CGGCAGGTGAGTTGTTACACACTCCTTAGCGGATTTGACTTCCATGACCACCGTCCTGCTGTCTTAATCGACC
AACACCCTTTGTGGGATCTAGGTTAGCGCGTAGTTAGGCACCGTAACCCGGCTTCCGGTTCATCCCGCATCGC
CAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGGAGCTCTCGATTCCGTGGTGCGGCTCAACAAAGCAGCCACACC
GTCCTACCTATTTAAAGTTTGAGAATAGGTCGAGGGCGTTGCGCCCCGATGCCTCTAATCATTGGCTTTACCC
GATAGAACTCGCCCGCGGGCTCCAGCTATCTGAGGGAACTTCGGAGGGAACCAGCTACTAGACGGTTCGA
TTAGTCTTTGCCCCCTATACCAAGTCAGACGAACGATTTGCACGTCAGTATCGCTACGGGCCTCCACCAGAGT
TTCCTCTGGCTTCGCCATTTAGGCATAGTTACCATCTTTCGGGTCCCGACAGGCATGCTCACACTCGAACC
CTTCTCAGAAGATCAAGTTCGGTCGGTGCAACCCACTAGGGGATCCCACCAGTCAGTTCCTTGCGCCTT
ACGGGTTTACTCGCCCGTT

>trans_s_3306 XM_002305085|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription
factor (ERF48), mRNA

CTTCCCATTTCCTCTATAATCAACATACAATCAATCCATCGCATTACCGTTTTCTCCAATACTCACAATAATTTA
CTATGGCGCCGAGAGACAAGACCGGAACGGCTTCGGCGGCGGTGACGGCGTCGTCGGGTCTAAGGACATG
GAGGTGCATTTTAGAGGGGTGAGGAAGAGGCCATGGGGGAGATACGCGGCGGAGATTAGAGATCCGGCGA
AGAAAAGCCGTGTGTGGTTAGGCACATTCGACACGGCGGAGGAAGCGGCGAGGGGCTTACGACGCCGCCGA
CGAAATTCGGTGCGCCAAGGCTAAACTAATTTCCCTTCCGCTACCGTCAACGATCTTAATCTGAGTCC
TAGCCGGAGTAGTACCGTCGAATCTTCCAGCCGGGACCCCACTGATTTTGACCTTAATCAGGATGCCTCTGGA
TCTAGGCCGCCGTTTCTTCCCAACAGCATCAATTCGGAGGAGGGATTTCCCTCAGCAATCCAATCAATTTG
GTTCTTGGATCATCCATTTTCCGGAACGGAACGGAATCCGGTGTGATTTACGATCGGCACCGTGTAAGGCG
GTGGTCCAGTGCGGCGGAGTTCAAAGTGACTCAGATTATCTCTGTTATTAATCTGAACCAAAATGATGACC
ACAAATCAAGACCCGCTCTAGATCTCGATCTCAATTTCCCTCCACCGGACTCCGCTTAGGTTTTGATTATCCATG

TCCATGAATTTTCTTTTTTAATTCTCTCCATGTAAATTAATACACGTGTACTAGAAAGAAAAAACAAAAACAA
AAACGAAGAAGTTTCCGGGAAT

>trans_s_3307 AB433897|Nicotiana tabacum NtJAZ2 mRNA for jasmonate ZIM-domain protein 2,
complete cds

AAGATCCAAATACTCTTCTCTTCTGCTTTTTTCTTGTCTGCTCTTCTCCTCTTCATTTCTTCTCTTTGCCCC
CCCTTTGTTTCAGATTTTCTCCTCTTCGGTCCTTTTTTGTTCATTTTGTGTTGCCGTCCGCTTTTTGGTCTCAA
ATGGAGATGGATTTCTGGGTTTGAGCTCTAAGGAGCCATTGGCTGTGGTGAAACAGGAGATTGACAACGAT
GGAGCGCAAGATTCTGGGTATACTAAAAGCTCTGGTGTTCATGGTCCTCTAACAAGGCCTCTGCTCTTCCTCA
TCTGATACCTTTCAAGATTTCTGCAGACGACAAGACTTCAAAGCTCGGTTCTGATCCAGTCGGGGCTACTTCAG
ATCAACGAAGAGCAGCAGAAATCCAGAAAACGTTCAATCACGATAGGCAAGGTGGTCCTCATTTTTCCCTGGC
AGCTTATCCTATGCAACCTGATTTGTATTGATTTCATCGTCCTCATGAAGCAAACTATTTTCAGTTCAAAATCA
AGGTATATCTGTTTCTTAGGCAATCCATCCTGAAGAACCCTTTGCTCTTCTGGTCAGATGGCTGGTCCTAT
CCTCAAACAACCACTTGGAGGAGTACCTGTTTCGACTGCTTCAAACCTATTTTCCACCATTGGTTCTGTTGT
CGGGATTACTGAACCATGGAACAGCATGAAACCTACTGGAGGTTCTCAAACCAATTGACTATTTTTTACGGT
GGTACCGTCAACGTCTACAATGACATTACCCCTGAAAAGGCTCAGGCTATAATGTTCTTAGCTGGGGCTGGGG
CTGCCATC

>trans_s_3308 XM_002866610|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat
family protein, mRNA

CCAACCCATCGGTTCTTCCCTCTCCAAATTTCTGAAATTTCCCTGTTTTGACTAAGAAATGGTCGGCCATGG
CAACCACAGGTTGAAACTCTCCATCTTCCACCAACGATCTTCTCCGACTCCAAACCCCAACGCCAAAAGACT
GTCCCCAAGAATACCTCTGCCCAATTTCCAAGTCTTAATGGCCGACCCAGTTGTCGTCTCCTCTGGTCAAACCT
TCGAGCGTCTCTCTGTAAAGTTCGTCAAGACTTGGGGTTTTCCCCCATGCTCGAAGAAGATGACTCAAGGCC
GATTTCTCCTCTGTTATAACCAACAAAAACATAAGATCCACCATTCTCAAATGGTGCGATAACAACGGCATCGA
ACATCCCCAACCCCGCCTTACACTTCCATTGAACTCATTGTTTCGTCAATTAATGCACAAGGAGGAGCAGGAG
AATCGATTGAGGCTTCTGATACCGCGTTGATTAGGAGGGTCGCTGATAAACCGACGGGAGTTGCGGTTTCAT
GCGACCACCGAGGTTGGGTTGCGACACAACCGATTTCAACTCAACTCGCCGGAGCAGACGGAGGAGACCACA
CGGGAGAGTACTCTTGCCTTTCAAACACAACCATCTAGTTATGCTGCTAATGCTTCTCCTCTTCACATGGA
GGCTTCGATAGAGATTCCAATCACGGAGGATATTCTGATTTCGATTCCCCAAATTTAGAGGAAGAATCTCGAC
TCATTTTGAAATTCAGAAGCAACGACGAATTCGAGCAACGAGAAGGAGTGATTTCCCTACGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3309 EF063572|Actinidia deliciosa ACT1 (ACT1) mRNA, complete cds

TCACCTGCCCATCGGGTAGTTCATAGTTTTCTCAATGGCCGAACTAGTCCTGGCAGTTTCCAGTTCTTGCTCAT
AATCAAGGGCCACATATGCAAGTTTCTCCTTCACATCACGGACAATTTCCGTTCTGCTGTTGTTGTGAACATG
TAACCTCTTTCGGTAAGGATTTTCATCAAAGCATCAGTCAAGTCACGACCAGCAAGGTCGAGACGTAGGATAG
CATGAGGGAGTGAAAACCCCTCGTATATGGGCACTGTGTGACTCACTCCATCACCAGGAATCCAACACAATACC
TGTTGTCCGACCACTGGCATAGAGAGATAAAACGGCCTGGATTGCAACATACATGGCAGGTACATCAAAGGT
TTCAAACATGATCTGAGTCATCTTCTCCCTGTTTGCCTTCGGGTTGAGTGGTGCTTCAGTAAGAAGTACCGGAT
GCTCTTCAGGTGCAACACGAAGCTCATTGTAGAAGGTGTGATGCCAAATCTTTCCATGTCATCCAGTTGCTA
ACAATTCATGTTCAATTGGGTATTTCAATGTAAGAATACCTCTTTTCGACTGAGCTTCATCACCAACATAGGCA
TCCTTCTGGCCCATTCGAACCATCACACAGTATGACGTGGTCTGCCAACAATACTAGGAAACACAGCCCTTGG
AGCATCGTCACCAGCAAATCCAGCCTTGACCATTCCAGTTCCATTATCACAGACAAGAGGTTGAATATCTTCAC

CATCTGCCATCTTTCAAACCTCCACCAAAACTTGATTGAAAGAAGAAGCAGAGAGAGAAGAAAGGGGTGTTT
GAAAATGGAAAAAAT

>trans_s_3310 AY056419|Arabidopsis thaliana At1g30270/F12P21_6 mRNA, complete cds

AGTAGAAGTAAAGAGGATTTGGCTTTTCTTCTTAGAAAAAGACCTAACTTTTCATTACATATTTTCTCAAATCC
CTTCCGTCCGTTCTTCCCTCCATCCAATTCGATTCCTTCCTTCTTCTGATTTTACTCAATTCATTCAATGAACAGTC
GATCACTTTCCATTTTTTACAATACTATTTTACGAAATTTCCCTCTTTGATTCTCCCCATTTTATCTTCTTCCTT
TTGATTCTTGGGTTTGTTTCTGTTACGAATCCAGCTTCATTTTTTATATGGTCCGTCGATTCTCCCCGAATTCA
ATGGCTTCTTTCTTTCATCCGACGGTTTCTATAATCAACACTTTCGTTTTCCCTCATCATTGATTTCCGTTTTCTC
CACTAATCTTTCTTGCCCTTTCCCTGATTTTGATTCTTGACTTGGGGGAGAGAGAGAATCTTATTTAATTAAC
AAGGGAATTTTTTTTTAAAAAGGAGAAATATGAGGATGGTGAAGTCTCAGATATGGCAACCCTGTAAGAAG
AAGAGGTCTTGATCGGAAGGATCTAGAAAAAGAGAGGGATATAGGGTCGGGCAGAGAGAGAAAGAGAGAG
AGATAGAGAGGGGAGAGAGAGAAAGGGGTATCGGAAATGGACGGCGCGGTGTGAGGTTGAAGGCGGCG
AGTTCGAGCAATGGTGAAGAACCCGTGTGGGAAAATACGAATTGGGTAGAACCCTTGGGGAGGGTAACCTT
CGCCAAGGTTAAGTTTGCTCGGAATTCGGAGACCGGGGAGAACGTGGCGATCAAAATCTTGAATAAGAGAA
AGTTCTTAAGCATAA

>trans_s_3311 XM_002864431|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ndr family protein, mRNA

AATACGAGAGAAGAGAGTAAAAGCATAAGAGAGAACTCCTCCGTGTGCGACGGCGACCGGCTGTTTTGGT
GGTAGCGCTATTCAACGGACATAGAACTACGGCCATGGCAGATTCTAATGACTCTGTTTCCGTGCATATGGAG
AAGATCTATCTCGGTGGCAAGGAGCATCATGTACAACTGGCCGGGGTTCTGTGTCTGTAATAGTCTGTGGAG
ACCAAGATAAGCCGCCACTTATTACTTATCCTGATTTGGCTCTAAATCATATGTCATGTTTTCAAGGATTATTCT
TTTTCCAGAAGCAGCTTCGTTGCTACTTCATAACTTTTGCATCTACCATATCAGCCCTCCTGGACATGAGTTAG
GAGCTGGTGAGATTTGTGAGGATGATCCTTCACCCTCTGCCGATGATTTAGCAGATCAAATCCTTGAGGTTCTC
AACTTTTTTGACTCGGTGCAGTTATGTGCATGGGGGTGACAGCTGGCGCTTACATTCTTAGTCTTTTTGCTTT
GAAGTATAGAGAGCGAGTTCTTGGTTTAATTCTTATATCCCCCTTATGCAAGTCGCCCTCTTGGTCCGAGTGGT
TCTATAATAAGGTAATGTGCAACTTGTGTACTTCTATGGCATGTGCGGTTTGTTGAAAGAGTGCTTGCTTCAG
CGGTATTTTCAAGGAGGTCCGTGGTAGTGCCGAAGTTGCAGAGTCTGATATAGTTCAAGCATGTAGAAAA
TTACTAGATGAGAGACAGAGCAAACATGTTTTGAGGTTCCCTCCAGCATTAAAGAAGACCAGACATTACCG
AAGGGTTAAAAAGGCTCCG

>trans_s_3312 HM124891|Cucumis sativus isolate Csa006756 cultivar 9110Gt TIR-NBS-LRR class
resistance protein gene, complete cds

CTCTTCAACCATCTTCTGCCAATTCAACCGCCGGCTTTCTTCTTAGCTTCAGCCGAAAAGTTCGGTAATTATAG
CTCGATTTCTGATAATCATTTTATGTTTCTGAACCGAAGTTTGTCAAGTTGATTGGATTTTGATTTGCACTAGTT
TATCTTTGATTTATTGTTTCTTCTCCGTTTAGTACTTGTTTTCTTAAACCAATTTGTTTCTTTGTTTGATTGTGCTC
AATATTTTACTTTGAACCATTGCTTCAATCCTCTTGTTTACTTGACTTTTTATGTTCAATCTAATTTTCGCTGCCA
AGGGTCGAACCGAATTCATCTGAGGTTTACTTTCCTATTTTACGCTTCGTCTTAACAACTGTTCCGGCTTAATTTT
CTAAGAATTAGTGTTTTTCAAGGATTGTAAACGATGGGTTGCTTGTAATTCTTGCTTTGGGATCTAAAATCTTG
CACCTGCTCGTTCTTGTTTCGTTTTTATTATTTAGTTTGTCTGACTTGAGGACCGTAGAATAGTGGTGTTAGT
AGATTGGAAGGTTGAAAAACGTACACATATGGTCTATAATCTATGATTTTTTTGTTTGTAATAATTCATTGTAAT
TGTTGAGAAATAATGAGCTCTTACTCAAGCTTATAGTTTATACCTTTGTTGGAACCTCGCAATTGTAATACC
TACTTTACATTTGAGAATAATAGGCATAATGATGGTTTTGATTTTGAAAATTTGGTGAAAGAGAAGCTTGAAA
TAACTGAACTTAAGGAAATTGAAAATTCAGATCTAAGAAGCACCTTTTTGAATGAACAGAGCCTACATACATT

>trans_s_3313 NM_001049054|Oryza sativa Japonica Group Os01g0235100 (Os01g0235100)
mRNA, complete cds

TCATTAGGCAGGAATCAAATATCTTGTTGCTCTTTGCCGCTCCTCTTCCACTGTCCACCACGCACCCACAAAATG
GGAAGTGTCTTCTCTCAGTTCTGCCCCATTCTTCATTCCCTCCCATCGTTCCCGATTCAACCACTTCACTCCCAT
TTTCATCATCTAGACCCACCACCTTCCTCTCTTCTTCTCCTCTTCTTCTTCTCAGCTTCGGTTGTTGATGAAGAAAT
CAATTCTTCTTCCCCAGATCAACTCTCTTCAATCTGAATCTGACCCAGAAAATTCTTCCTTCGGAGGGGTGTAA
GGCTTGTGGAAGGAAGAAATTGAGAGGGGATGCAATGGTGAGGGAAGGATACAAGGTGGAATTGCAACA
GTTCTGTTTGGTTGGTGGCCTATAAAGGCATACAGGCCCTTGTCTGGATTCTGTAGCATCAGGTGGCAGAT
ACAAGCGGCACGGACAAAGCATGGACGAGGTTACATCTGGAGGGGGGAGGACTGAAGCCTCTGCCAGTGT
AGTAGAAAGGACTCGTCGAGCAAGAAAAAGTCAGCTAAGGGGTAACTTAGACAGGGAGGAAATGAAGGAT
GGGATGTCAGAGTTGTTTATATGGAAAAAAGATACCAAGGTGAAAGGGGTGACTTTTGAAGAACATGTCA
AAATTTTCTCATAGGGAATTTGATTGAAATTTGGTTAGATTCTCATTTCTTTAGGCTTCTGTAATGATATCAAC
AAGCTTGTATTGGGAGGTTATATTTAATATTTAAAGGGAAAATTTCAAGTTTAATGCTTGGTTGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3314 NM_001084628|Arabidopsis thaliana LPP3 (LIPID PHOSPHATE PHOSPHATASE 3);
phosphatidate phosphatase (LPP3) mRNA, complete cds

ATTAGTGAAGTGGTTCATCTCTGTCTGTTCATAATGGCTTGGTTGAAGAATTTCTGTCTTTCTTTACTTTCC
GCAGTTCCTCAAGGAGATTTGCGGAATTAGATCCTTCTGCACATACAATAAAATCCCATGGAGCCAAAGTTGC
TAAGAATCATTTACACGACTGGTTGATTCTTCTACTTCTCGTTGTGATTGAAGTGGTTTTAGTGTCATTCATCC
ATTTTATCGCTATGTGGGAAAAGATATGATGACGGATCTTAAGTTTCCCTTTAAAGATAATACAGTTCCTGTTT
GGTCTGTCCCTTTGTATGCTGTTATATTGCCAATTTTGATATTCTTGATCGTCTACATACGGCGGAGGGACGTTT
ATGATTTGCACCATGCCATTTTAGGTCTTTTATTTCTGTGTTGATTACTGCTATCATCACTGATGCTATTAAAAA
CGGCGTCGGTCGCCCTCGGCCGAATTTCTTTGGCGTTGTTTTCGCAACGGAATAGAGGCATATGATCGAACG
GGAAACGTGATATGTAACGGGAAAGAGAGCGAAATAAGGGAAGGACACAAGAGTTTTCCAAGTGGGCATAC
TTCATGGTCATTTGCAGGGTTAGGATTTCTTGCCTTTTACCTATCTGGAAAAATGCAAGCATTTGATGGAAAAG
GACATGTTGCAAATTATGCCCTGTGTTTCTTCTTTGCTTGTGCTGCACTTGTGCGAGTTTCTAGAGTCAATG
ATTATTGGCACCATTGGCAAGATGTTTTCGCTGGAGCCATTATAGGATTGGTGGTTTCGGCCATCTGCTACCAT
CAATTCTTCCC

>trans_s_3315 FJ032302|Populus deltoides eIF5A1 mRNA, complete cds

TGTCTACAACGTCTTCAGAAAGCTGGGAAACATTCAGAACAGTGTGTAAAAAGAACAACAGGGAAACGCCGG
TGCAGCGATGTCGGACGAGGAGCACCCTTCTGACTCCAAGGCCGACGCCGGAGCTTCCAAGACTTTTCTCAG
CAGGCTGGAACCATTCGCAAAAATGGCTACATCGTAATCAAGAACAGACCCTGCAAGGTAGTTGAAGTTTCTA
CTTCAAAAACCTGGAAAACATGGACATGCAAAGTGCCACTTTGTGGCGATTGACATATTCAATGGGAAGAACT
TGAAGATATTGTTCTTCTTCTCACAAGTGTGATGTTCCCATGTTAATCGCACCGATTATCAGCTGATCGACAT
ATCTGAGGATGGTTTTGTGAGTCTCCTTACTGAAAATGGAAACACCAAGGATGACCTGAGGCTTCCCACCGAT
GATAACCTGCTTACGCAGCTTAAAGATGGGTTGCGCGAAGGCAAAGATCTCGTGCTAACTGTCATGTCTGCAA
TGGGAGAAGAGCAGATCTGTGCTCTCAAGGACATTGGTCTAAAAGTTAAACACAGAGCTTCGGCTACACCT
GATGATGGCACAGCATCATCAGAAGTCTATCAAGTATGCTTATATGTAATAAAAACACAAAATCAGCTGTGA
AATTAAGAGCTTAAAAATCCAGGAAGCTTCTTACAATGGGAAAATATTATAGGAAATGTTGAACCTGCTGAGA
TCCTTGCAACTCTGATGAAAGGATTACATACATATTTCACTCTTCTTTTATATGGTACAATACTTAAAAAATCTG
GTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3316 NM_106257|Arabidopsis thaliana CDSP32 (CHLOROPLASTIC DROUGHT-INDUCED STRESS PROTEIN OF 32 KD) (CDSP32) mRNA, complete cds

AATCCCCGCCCTTCCTCATCCCCAACCTCATTAACTCCCTGCCGCCGCCGCTTCATCTCCTCCTCCGCCTCA
TCACCGCCCCTCGCCGCGCCCGCCGCGCCCTTCAAATCCACGCCACCGCATCTCCAAGCGTGAAGAAACAGAG
CAGCGATGAACGAGTTTTGAAAGTACACAGTAAGGAGGAATTCGACGAAGCTCTGAAAAAGGCAAAAAGTA
AATTAGTTGTAGTGGAATACGCCGCTTCCGATAGCGAGCAGAGCAGCCAAATGTATCCATTTATGGTGAGTCT
TAGCCGTAGTTGTAGCGATGTGGAGTTCATTTTAGTAATGGGAGATGAGTCGGACAAAACGAAGGAGCTTTT
TGATAGAGAGAAGATCGAAAAGTTCTCCTCACTTCAGTTTCTATAAAAAATATGGAGAAAATTCACGAAGAAGA
AGGAATCGGACCGGATCGATTGGAAGGCGATGTGTTGTATTACGGCGATAACCACTCGGCGGTGGTTCAATT
ACACAGTGGAGAAGATGTGGAGAAGCTGATCGGAGAACATAAAGAAGATCACAACTGATCGTGTTGGACG
TGGGATTGAAACACTGTGGACCGTGCCTGAAGGTGTATCCGACGGTGATAAAGCTGTGGAAGAAAATGGAG
ACGGTGGTTTTCTGCTAGAATGAACGGAGATGAGAATGCAAGCTGTATGAAATTTCTGAAGGATATGAATGTG
GTGGAAGTCCGACGTTTTTTGTTTCATAGGAGACGGTGAGATTAAAGGAAGGGACGTTGGGTCTGGGAGAG
GAGAATTGATCGGGGAAATTCTTAAATACCAAG

>trans_s_3317 NM_116401|Arabidopsis thaliana CRK (CROOKED); actin binding (CRK) mRNA, complete cds

AAACAAAACCATCGCACCTCAAAGACCATTGCGCGGCGAGAAAACCTGTCATCTCTTCTTTTACAAAATCACA
ATTCACATTTAGCTCCGATTTCAATCATACAACCTGTTGGGTATCGATCTGTATTGGTATGATCAGTTTTTAGTT
AAGCTCGAGAAAATCCTACTGGAAGTAGGGTGATAACGCAAGGCCGAAAATGGCGACTACATGTGAATTTGTG
GAAGCAGATAATGCAGAAGCCATAATCACCAGAATTGAGCACAAATCTCGAAAGATCGAAAGCTTACTCAAA
CAGTCTAAACCAAGTCGAAGCTCTTAAACTGCTCTTGAAGGTTCCCTCCAAATACCCGAGATGAGCGTTGTAA
GTCAGCAAATTGGATTGTGGTGCATAGGGCTCTCATGGCTATAAAGGATGTAGATGGGATGTTTTCTTCGTTG
GATCCAGAGTACTACGATATTCTAATGAAGTACTTGTATAGAGGGTTGTCAACTGGTGATCGTCCCACATGTG
ATCAATGTCTCAGGATACATGAAAAGTTGACAGAAAGGGCTGGCTTAGGCTGCATTCTTCGTTCTCTTGCCGA
TACTATTAATACTGTTTGATTTTTCTTTGAGCAACTTTTGGTTGATGTTGGATATATGTCATACTAAGAGCTGA
AAATGTACTCAGTTCCATCGAGTTTTGACAGGTGTAAATTGCTTTCCAGATTGTGGATTTATGTCAACCAGATT
TAATTTCTAAATGTACTTGTAAATTTGTAATTTGTAATTTGAACAATTGAATGTAGACTGAAATGCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3318 AY105253|Zea mays PCO131351 mRNA sequence

AACGAAACGACGACTTTTTTCCCGACCTCCAAGCTCCGGTGAGAGATTTCAGACTCTTCAACTTGACCCGAAT
TCTGAGATTTACCGTTGGTTCTTCATCGCCTCTTCCACCGCTGCTATTTCTGCATTTTTTTTCTCATTTTCTAT
TCCAGGTGGCTGATTTACTTGACATTTGAAGACTGCATTCTTGTTGATATTTCACTGTCATGGCATCTAGACGGA
ATATTCGTTATAGCTCCCTTGCCTCTGATGATAACGATGTTGATTCAGAGGGAAGTCGATTTGATCCTCGCTTTT
ACTATACACCAAAAGCTTTTGACAAGATCCCGTGGAATCCATTGCTCTTGCTATCTTCTGTTACTTCTTGGAT
CATTGCTTCTCTTCTTTCGTACTTTGTATTAACCGGTCACATGGCAGGAGAGAAAATCACAAGCTTATGGTCTTT
TAGCATTGGGGTTTCTTACCTTCTCCAGGCTTTTATGAGACTAGAATTGCATATTATGCATGGAGAGGGGCC
AATGGATATCGCTTTCATCCATTCCCGATTACTAAAGCGTTCCTATCTCAATGGTGTATGCTTGTCCCATCTCT
CTCTTTCAATGTCAAATATCATATAAAAGTCAGAAAATGGTTTGTACAGAATCACGTCTCTCGAGTTTGTAAAC
GTATTTGTCCTTTGTTTCTTCTCATTCTCATAGTTGTGTAGGGTCAGGAAAATGATAAATGGTTTAGCTTTAAT
TCTTAGCTTGAAAAGCTTGTAGTTAACTCAAAATCTTTATGCCTATGAGAATACTTGCTAGTGAGATTATTC
TAT

>trans_s_3319 NM_123752|Arabidopsis thaliana ARD4; acireductone dioxygenase [iron(II)-requiring]/ metal ion binding (ARD4) mRNA, complete cds

AGTTTCAACACTCAACCGATGAGAGAGTTCTGTTTCTCCGCCGTCCACTGCCTTTAAATTTGGAGCTCCATTT
TTCATCGGAGCACATTCTCGACCATCAACTCAGAGCAGGTTCAACAATGGCCATCGAGGCTTGGTTTATGAA
CGATAGCAATGAAGACCAGAGGCTTCCTCATCACTCAAACCCTAAGGAATTCGTCTCCATGAACCAATTGGCA
GAATTAGGCGTTTTGTATTGGAAATTGAACCCTGAGATATATGAAAACGATGAGGAATTGAAGAAAATCAGA
GACGATAGAGGATATAACTACGTGGATTACTTGATATATCTCCAGAGAACTTGCCAATTACGAAGGGGAAAT
TGAAGGATTTCTACACAGAACACATTCATGCCGATGAGGAAATTCGTTACTGTTTGGATGGCAGTGGCTACTT
TGATGTACGGGACAAGAACGACCGTTGGATTGAATCTGGATTAAGCCAGGCGATCTTATCATCTTGCCGGCT
GGTATCTACCATCGTTTTACTCTGGACACCAATAATTATACCAAGTTAATGAGGCTATTCAAGGGAGAGCCAGT
TTGGACCCCTTTTAACCGACCACAGGAGCAGCACCCGGCAAGGAAAGAGTACCTCAAGTCCTTCACTGAGAAA
GCTGGAGTGGCACTCAAGGCTCATTAAAGATTTGTGTATTCTTCTGTACTATGCCATTTAATACAAAGCTATGG
GGTTTAGCTCAGGTCATGTATTGCTGGGTATGGCTTAGATTAATACTGTATAAATATGGCAACTGCTGTTGAA
ACCCTGTTTAAGTAAATGTC

>trans_s_3320 BT004784|Arabidopsis thaliana At3g03150 gene, complete cds

CCATTTTCTTCGTCTTCATCTCTCTCCCTCTCTCTGCTTAGGCGCAGTTCTTTTCTGGTTCTTCGTTTTTCTCCATC
TCTCTCTCTTAAGCCTGAATTGTATGGCCGCTAATTCGAGGAGCGCAGGAGCGATCGCCGGCTTGGGGAAAC
GAATCACCGACCAGATCTGGACCAGCAGCGATTCACTTCGTAACCTCTGTGATCTTCTCTGCTCCGAAGTTC
AGGAGGGCAGCTCACACCTCAGTGTATGACAAGAATCCAGAGGAGCAAGTTCGACCATCCATAGTCCAGAT
GATGTGATTCAACCTCAAGCAGCTGACAAATACTGGGCTCCCCATCCACAAACCGGAGTTTTTGGACCGACCT
CAGACAATCCTGCTGCGGTGGCGGCGGCCAACCGTGCAGCAGATGTTGGCAACTACTCGGCTGCGGAGGAG
GAAAAAGCTTGGTTCCGACCAACAAGTCTGGAGGATTCGGAGAAGCCCCACGGGTTATAGAGTTGGTACTTT
TGGCCACAAAACATTAGTCAAGAAGTAGCAGTCAGCTATATTGACGTTTATTAATAAAGAAGGGTTGTTTGT
TTGTTTAATGGTTATACTAAAGTAAGTGTGTCAGTGTGTTGTGTTGCTTTAAAAGCAATGTGGCTGAGGAATCA
ATATATGGTCATATGGTGTGTACCAAATATATTACGTTGTTTGGATGTTTTTATGCTCTTCTTTGACTATGCA
AAATAGTGTGGTTTTATAGCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3321 NM_001067543|Oryza sativa Japonica Group Os08g0152900 (Os08g0152900)
mRNA, complete cds

ATTTCTTGAGGAATGGTTCAAGAACTTTGTTTCATCGTTGGAGAGAGAAGCAATTGGCGTGGTGATAGTA
AGACAATTCCACCAACAATCAAAAGAGAGAAATGATATTGAAAGCTTTACGGTCACTAATTGAAGTGTATACA
AGCAGCAATCAAAGTGCAATTTCTCAGAGATTTGAGAACTTGTTAAAAGGGATTCACTAGATTCCTTCACTTTT
CTTGTTACATTATTCTACCAATTTGAAAGAGTTCTACCCAGATTTGAGATATGTTCCCGTAGAGATGCAATCCCC
TCTGATGAAATTAACGGGAAATGATAGACTGATGTTTCGACCGGCATAAGCCCAAGAAATGCACTTAAAGATG
TTATATAAGTGAAAGTTTCAAGGTGTGATCGACACGAGCCATGGCTAGATCTGGTTCTTGTTGATTGGAAATG
GAAAATGGATTGGCCAGGGCCAGAGGTACTCTGCCGCGAAAATTTGGTGGCTATGCACATGGAGATCGGGG
AACTTATCCTTCTCAGCAAGTTGAAAGAGAGTGTTTATTTTTCATATACGACAAACAGTAAGTGGGTTCGTTT
GCAAAGGTTTGAGCTCAATTGGTAATAATCCCCTCCTCTCATTCTTTCTCACTTGCCATTGGAAAATCCT
CATTTTTTGAGCTCATCAAGTCAATTTATTGTAGTTAATGTTGTAGTGCAGAGCTTCTTTACTATTGGTCTATTTA
TTATGTATAGGGTGAGTGAATTTGTTTTGTGTCTTTCATTTTTGTATAAATTATGGACAATTTAATTATTATAA
TGTANGTAAGATTC

>trans_s_3322 X72617|P.serotina mRNA for mandelonitrile lyase

TTTGAAGCAAGTTTGAATAATGGTTGGCAATATGCTTTCAGAAATGGTTTGTGGAAGCTGGAGTTGGTCCTT
ATAATGAATTTGATTTGAACCATCGTTTAGGGACTAAAATTGGAGGGTCAATTTTGTATAAAGAAGGAAATAG
ACATGGATCTGTGGAGCTTTTGAATAAGGCTCATCCTAATAATCTTAAAGTTGTCGTCCGAGCCACAGTAGAG
AAAATCATCTTTTCTGGTTTATCAGCTAGAGGGGTTTTATATTAGATTCCAAAGGAAAGTTACACACAGCATC
CATCCGCAGAAAAGGAGAAATTATTCTAAGTGCAGGAGCCATTGGAAGTCCTCAACTTCTCCTTCTAAGTGGG
GTTGGCCCCAAATCTCATCTTTCATCCTTAAACTACCTATCGTTCTTCACCAACCACATGTCGGCCAATCCATG
TCTGACAATCCTCGTTTCACTGTCAATATGGTGCTTCCATATCCATTGGTTATCACAGCCGTAAAAGTTGTTGGA
ACCTTAGATGACAATATCCATCTTCAATCTATCACAGGCTTTTTACCATTTTCACTGCCTCCATCATTTAGTCTTC
TTCCTCGTGGATTTGATTCCGTCAATTTGAGCTTAGCCACCGTCGTTGGAAAATTCTCTGAGGTTCTTTCTGAAG
GGTCCTTGAAATTGAATCTTCAACTGATGTGAAGAAAAATCCCATTTGTTAGATTTAATTACTATTCTCATCCTG
ATGATCTTGCTAAATGTGTTAGAGGAGTAAGAAAAATGGGAGATTTTCTTAAACTGCAACAATTGAAAAGAT
AANGATACAAG

>trans_s_3323 AY258007|Nicotiana tabacum TGB12K interacting protein 2 (TIP2) mRNA, complete cds

AAACAAGAAATTACGGTTCTCAAAGAAATGAATTAACATAGAACCAAATTATATAAGTCTCGTTAGGGAATCA
GGTTAGACAGAGAGCTTGATCTCTTGCTCTCCTTCTCCCTTGAATCTTCTCGCGCCAGGATCAGATATTCTCAT
GGCCTCGAATAGTGGCAAAGAACTTCTGTCTGGTTCTTCAGACAACAAAAACGCTAAATCTGAAACATCCTCTT
CAGACAATCCTCCTCCACAGGCAGCATCCCAAAGAACTAATTCTCCACCTCAGCCAGCACCCCAAGAACTAAT
TCTATATTTGATGACCTGCCTCACGACAATCCTTTTGATTTCTCATCCATGTCTGACATTCTTAATGATCCTAGCA
TCAAAGCATTAGCGGAACAGATAGCAAAAAGATCCTTCGTTCAACCAGATGGCTGAGCAGCTTCAACAATTTCA
GAGTCCACCAGCTCAAGAAGGAATCCAGTTTGATCCTCAACAATACTTTCCACCATGCAACAAGTCATGCAG
AATCCTCATTTTATGTCTATGGCAGAGCGTCTTGGTAGCACATTAATGCAGGATCCATCTATGTCTCGCATGTTT
GAGAGTTTGTAGTCCACCAGATGGTGATCAACTTGAGGAGAGAATGGCACAGATTAAAGAGGATCCTTCA
TTGAAGCCTATATTGGAAGAGATAGAGACTGGCGGTCTACCTTCTATGATGAAGTACTGGAATGATAAAGAA
GTTTTACAGAAGTTGGGGAAAGCAATGGGCCTTCCAATTCCAGCTGAGGCAGCTACGTCTACTGACAATGCTG
CGGTTGATGATTCTGA

>trans_s_3324 AB490002|Citruillus lanatus subsp. vulgaris CitCaEFh mRNA for calcium-binding EF-hand protein, complete cds

TTCATCTTCTTCATCTTCTTCACAGTTTCTCTGTCTAGAAAATTTGTTTAACAAAGCCCTAATTTCTCTCCCA
TTTTTCTCAGCAACCAATCGAACCTCCACCACATACAAATTTCCCATTTGCCAGCCATTTTCTTCAGGAATTTT
CCCCTTTTCAATCTCCATTTCCACATTAATTCCCCTCCTTCTCCTCTCTCTCTTTCCATTAAACCCTTAAATCAC
ATTCTCCCATCCTCATCGCTTTTAAATTTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTCTCTCTCTCTCT
TTCACCTACTCCAAATCTCCTCTGCCCTTCGCCGGCCGGCTGAGATTTATCTCTCACCCAATCCACAAACACAG
TATATAATATAATCATTTTACAAATGGATCCAACGGAACCTACGAAGAGGATTCCAAATGTTTCGATCGCAACGG
CGACGGCAGAATACCAAGAAGGAATAAGCGACTCCTTGAGAATTTGGGAATTTTCATTCTGATAAAGAT
CTGACTCAAATGATTGAGAAAATCGACGTCAATGGCGATGGATGTGTGACATTGATGAGTTCGGTGAGCTG
TATCAGTCGATTATGCACGAGCGAGACGAGGAAGAGGATATGAGAGAAGCTTTCATGTCTTCGATCAAAAT
GGCGATGGATTCATACCGTGCACGAATTGAGGTCAGTTCTAGCTTCTTGGGGCTTAAACAAGGGAGAAT
GTAGAGGATTGCAAGAAAATGATAATGAAAGTAGATGTGGATGGAGATGGAATGGTGAATATAANGAGTTT
AAACAAAT

>trans_s_3325 BT025638|*Arabidopsis thaliana* At3g45050 mRNA, complete cds

AAATAATCATCAATAAAAAATATCTCTGAAAAGATAAGCAGGGACCCAAGAATTTGGGAACGCCAAGCAACT
ACACACTGGAGTTCGTTTCTCAATGGAGCTAACTCTGCCTACCCCCTTGTTTGTCTCCATCCCCAAGATCGTTAG
GAGTTCTAAACCCAACAACCATGGCCTTTGCTTGTTGAACTCTATTCCTCTTTCAGCTGATATGAAACTACAAG
GAGGAAGAAGAACATTGACTATAGCTTCCTCTCTACCTGAAACCGCTGCTTCTGTGGCAATTGCTGCTACAGTT
GTAGGCGCAGCAGCCACCTTCCTTCCAGAAGAAACAAAGATTCTGAGGCAGTGGAGGTTCCCTTGATAACAT
GTGAAGATTGTGGTGGTTCAGGCTTATGTTCCGAATGCAAAGGTGAAGGTTTTGTGCTTAAGAAATTGTCAG
ATGAAAATGCAGAGCGGGCGAGGTTGGCTGCGAAGAATATGGCCACTCGATTACCCGAGCGCTTCCTAAAA
AATGGAGTTACTGTTCCAAGTGCTCTTCTGCTCGATCTTGTAAGTACTTGTTGGTGGCAGTGGGACCTTGAGCTCT
TAGAAATTTGATAAAGTGATGAATTCTTTACAAATGTACATGAGAGTTTAGATCACAAACGCTGGTTTTATTG
TTAAAGGAAATTTGACTTGTTCTTTATGAGTTTGCTGAATCAGTTTATGGTTAAACATATTGTAAATAACAAC
ATTGACAAATAGGTGAATCTAATGCACAAGTCATACAATGTTAAAAACAACATAAAAGGCATAAGTCTAATTA
ATGAACAATTACAATAAT

>trans_s_3326 FJ362596|*Vernicia fordii* 60S ribosomal protein L27A (RPL27A) mRNA, complete cds

AATCCCTCAAACCTACTGTCATTCCATCTCCTCCGAGCAGCCGAAACCCTAGAGTGTGTGTGTGAGAGAGAG
AGAGGGAGAGAGAGAGGGAGAGATCCGCCATGACGACTCGTTTTCAAGAAGAACAGGAAGAAGAGAGGACA
TGTCAGTGCCGGACATGGTAGAATCGGCAAACACCGAAAGCATCCTGGTGGTCGGGGAAACGCCGGAGGTA
TGCACCACCACCGGATTCTCTTCGATAAGTATCACCTGGTTATTTCCGTAAAGTCGGTATGCGTTATTTCCAC
AAGCTTCGCAACAAGTTCTATTGCCCCGATTGTAAACGTTGACAAGATCTGGTCATTGATCCCTCAAGAAGTGA
AGGATAAAGCCTCCAAAGACAACGTTCCATTGGTCGATGTTACGCAGTTCGGATATTTCAAGGTTTTGGGCAA
GGGTGTCTTACCGGAGAATCAGCCTATTGTGGTGAAGGCCAAGCTTGTGTCCAAGATCGCCGAGAAGAAGAT
TAAGGAGGCTGGCGGCGCGGTGGTTCTTACAGCTTAGGTTTGGGTTTCTTTTGTATAGAGATTTTTGTTCTT
GGTGAATTTTCATTTTGTCTGGTTGAACCTATTGAACCTCTTTTTCTTTATAATTTAAAGCTTTTTATGGGTC
CATATTCCATTATCTGATGCTATGTTCAAGCTCTGTTCTTACTCAATTAGTGTGTTGATTCTTAGACTATGCGAGA
GAAATATATGGTTGATTGAACCTATTAAGGGTAGTGCAATAAGAATGCCTATAACCACTCACCTTTCGCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3327 NM_105744|*Arabidopsis thaliana* CRR23 ((chlororespiratory reduction 23) (CRR23)
mRNA, complete cds

ATCGTATGAATTATGATTTAGTTATTGAAAGAGTACTGAACAGAGCTTTTGATGAACATGAACTGCTGCAGCA
TTGGCCTTCTTCACATCCCCAAGGCCTTGCCTTCTCTCCTCTTCCAAAACCTTTTTCCCTTCTCTCTTCTCCCT
TTAAGCTTCACAATTTGAATATTTGCCTTCCAATTCAAACCCCAAAAATTTTGAGATAGTCGGAAGTATCAAA
GAAGAAGATCCCATTTGGGTATCTTGATAAAAAGAAAACAAGTTTAGCTCTTCAACTTGCTGCCTTTTAGCCAC
TGTTGGGGAGCCAGCAAGTGCAGTAACAGGAGACAACAACCATGAAGTTCCTTTAACATGGGTTTTGGCACA
ATTAGGCTTTGTTGGATTCTTTTACTTCCTTGCTTTTCTCCGATCATCATGAATTGGCTGAGGATAAGATGGTA
TAGAAGAACTTGTGGAATGTATATCCAATTCATGTGTGTCTTCTCTTCCCTGGAATTCTATTATGGGC
GCCATTTTGAACCTCAGAAAGTTTCCACGAGATCCATCAATGAAGTATCCATGGTCAACACCTCAAGACCCAT
CTCAGATAAAAAATGCATACTTGAAATACCCATTTGCTAAGCCTGAAGATTATGATTGGTAACCGTCGTCTGCA
AAAATTCCTCTTCCAAAGGCTCAACCTTTTTCTTCAAATTCATGAATGAAAATTAATATATACTTTGTTGTAATC
TTGTATAATCCACATCATCCAAGAAAATATATCAGTCTTGTTTCTTTGATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_3328 AF378891|*Arabidopsis thaliana* AT4g08280/T12G13_120 mRNA, complete cds

TGAGGAGGTGGGAATTTGCAGTGGCAAGAACCAAACCTCCGAAATTGGAAGCAAGAATGATATCTACAACCTG
CTGCGAGAATAGGGGCGACCTTCTTCTTCACCTTTATCACTACTCTTGAAACCTCATACTTCTCGCCCGATTCTGA
CTCCATCTGCTTCATTTTCTTCTTCTCCCTCTCGAAACTCATTCTCTACTCCAAACCCGGATGCTGTTTGTGC
GATGGCCTCAAAGAGAAACTACACGCCGCCTTCTCTCTCCGGCCCCGATTCTCTTCACGACGTCCACTTACA
GGTGAGGGATATCACTACTAACCCTGAATGGGAGAGAGCTTACCAGTATGAGATTCTGTGCTTGCGAAAGT
CCGCTCTGATGGCTCGGAGAGGCCATTCCAATCGAAACTTCTATGTGGAAAAGATAGGTCTGACAGAGAA
GCCTCTTATACTATCAAAGTTGCCATTGCTACTTCTATTTCCATTTTCTGTGCTTAAATTTTCTGTAAACTAAGT
TCGCTAGAACTACATACCTTCTGGAACCTTAGTATGAGCCAAATTGTTTGTGAAATTTCTTCTTAGAGATAA
AAATATGAAACAAGCTATTGGAAGGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTAATCAATCCCG
CCAACCCAGGGGGGGCCCCGGGACCAATTTCCCCTAAAAGGAGGCGTAATACCCCGGTCCCTGGGCCGCC
TTTAAACGTCCGGGAC

>trans_s_3329 HQ394171|Solanum lycopersicum cultivar Pearson prephenate aminotransferase
(PAT) mRNA, complete cds

TGCTGTCTGATGAAATATATGAACACATAATTTACGCTCCAGCAACTCACACAAGCTTTGCATCTTTGCCAGGC
ATGTGGGAAAGAACTCTAACTGTTAATGGGTTCTCTAAGGCCTTTGCAATGACTGGTTGGCGACTTGGATATC
TTGCTGGTCCCAAACACTTTGTTTCTGCTTGTGGAATAATTCAGAGTCAGTCCACTTCAGGAGCAAGTAGCATA
TCCAAAAAGCAGCTGTTGCAGCTCTAGGAATGGGCTATGCTGGTGGGGAAGCAGTTGCAACGATGGTGAAA
GCTTTCCGAGAACGTCGTGATTATTTGGTAAAAAGCTTTGGCGAACTTGCAGGTGTCAAGATTTCAGAACCTC
AGGGAGCTTTCTACCTCTTCTTGATTTAGCTCTTACTACGGAGCTGAAGTTGAAGGATTTGGTGTAAATCAAC
AATTCAGAGTCACTTTGCAGATATCTTCTTGAGAAAGGCCAGGTTGCTTTGGTTCCAGGGGATGCATTCGGTG
ACGATAGTTGCATTCGGATTTCATACGCGGAATCCCTCAGCGTATTGCAAGCTGCTGTGGAGAGAATTAAGGA
AGCACTTGAAGCAGCTAGGCCCGTTGTTCCAGTTTAACTGCTAATGTATGGAATTTGTAATAAAAGCTAG
GCCTGTTGCTCTTCAATGGTTTCGATTTAGATTATTGATTTAAGCTGCTGAAATTTGTATTCTAGTGTGTTT
AAATAAGTAATAATAAAAGAACATTAATCTTTTGTGCTCCATTTTGTGCATATAGTCTACGTTAATTAATG
TAATAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3330 XM_002332387|Populus trichocarpa cytokinin oxidase, mRNA

ACCTCTTCTGCCTTTTCTCCTTAGAAATAATAAGAACATGCTACCGCTCCTTTCATCTTAACTTCAGAGACTTGT
ACCCAAAGAAAAACAAGATATCCACCAGTTAGCTTCTCAGACAAAACAACATGCTTCCATTGGAAGCTTCGT
GATTTTCTTCTGAGTTTTATTGCTTTAGGATGAATCTATGCTTCACAGGCATCCCTTCTCATTGAAGATGCTT
TCCATTGACGGGCATTTTGAATTTGATCGAGTGCAATTTGCCGCAAGAGATTTTGGTAATAGATATCAATTCTT
CCCTGCGGCAATCCTACATCCATCATCAGTTTCTGATATCGCCATGACTATAAAGCATATTTGGAAGATGGGAA
CTCGTTCACAGCTCACAGTTGCAACTAGAGGCCATGGCCACTCACTTCATGGCCAAGCACAGGCCACCATGA
GTTGTGATTAACATGAAATCACTTCAGGGCCCTCAAATGCAGGTTTATACCAGAACTTCATTACATCGATGT
TTCAGGAGGAGAATTGTGGATAAATATCCTGCACGAGAGCTTGAAATATGGATTAACACCAAAATCATGGAC
AGACTACCTACATCTAACAGTTGGAGGTACTTTATCCAATGCAGGGATCAGCGGACAGGCATTTCCGCATGGC
CCTCAGATCAGCAACGTTTCATCAGTTGGAGATTGTAACAGGAAAAGGAGATGTGGTGAAGTGTCAAAGAA
CAGAACAGTGACCTCTTTACAGTGTCTTGGAGGATTAGGCCAGTTTGAATTATCACACGAGCGAAAATTC
TGCTTGAACAGCA

>trans_s_3331 BT029343|Arabidopsis thaliana At1g61667 mRNA, complete cds

>trans_s_3332 XM_002872600|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata esterase/lipase/thioesterase family protein, mRNA

>trans_s_3333 NM_001061028|Oryza sativa Japonica Group Os05g0120800 (Os05g0120800)
mRNA, partial cds

>trans s 3334 XM 002871781|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GGGGATATTAGAAACAACAACCAACAGCCCTTCTTTCCCTTTTAAGAAGCTCTCCGTCGCCTTCTTCCCTAT
CCATATGAGAGCCTTCATGGAAGTCTCAGCCGATGATCGTCTATTTTGGGAAGATGGGTTATGGATGCCAGCA
TTACCGTAGGAGATGTAAGATTGAGCCCCCTTGCTGTAATGAAATCTACCCCTGTCGCCATTGTCATAACGAAG
CTACGAGTGTGATAGCAGACTCTCTGATCGTCATGAACTCAATCGTTTTGACGTTAAACAAGTCGTCTGTGCAG
TCTGTGACACGGAGCAGCCAGTTGCTCGAGTTTGTACGAATTGTGGTGTTAATATGGGGGAGTACTTTTGTGA
AATATGCAAATCTTTGATGATGATATTGAGAAGGGGCAGTTCATTGTGAGGATTGTGGAATTTGTAGGGTT
GGCAGTCGAGAAAAGTATTTTCATTGCAAGAAGTGTGGATCGTGTTACCATGTAAATTTGCGTGACAATCATT
CGTGATCGAGAACTCTATGCAGCACCCTGTCCAATTTGTTATGAGTACCTTTTTGACACGCTGAAAGATGTT
TCTGTTATGAAATGCGGACATACGATGCATCTTGAATGTTACTCTGAGATGATAAGTCGTGATAAATACTGTTG
TCCGATTTGCTCCAAGTCAGTTGTCGACATGTCCAAAGCATGGAACAATTGGATGAGGAGATTGAAGCAACA
GTCATGCCAGAGGAATATCGTCACAAAAAGTTTGGATTTTGTGCAATGACTGCAACGACGCGACAGAAGTG
TACTTTCACATAATTGG

>trans_s_3335 AF452450|Glycine max adenosine 5'-phosphosulfate reductase mRNA, complete cds

AAAATTATCAATTCGGTCTCGAAGGCAAAGAGAAACACAAATTTTTATTTTGGAGAAAAGAGTGTTCTGAAGAA
GAAGCTTTTAGAGCGATTTCGATTCAACAATGGCGCTTGCTTCTTCTTCTGCTTCTGCGATTACCGGTTCCA
GTTTCTCTCGTTCCATTTCCGCCTCCGAGCCTAAAGCCCCGCAAATTGGTTCTGTTAGGTTGTTGAGTCGGCCTA
ATGTACCAGCTTCGTCTGTGAATTATTTCGAGAGACGATGCTCTATAGAGCCTCTACATGCTGAACCAAAACG
GAACGACTCCGTTGCTCCGTTGGCAGCAGCCTCCGCTCCCCCTGAGGTGGTTGAGGAAGTGGAGGTTGAAGA
CTACGAGGGTTTAGCCAAAGGCCTCGAAAATGCTTCGCCCTTCAAATATGGACAAAGCCCTAGAGAAATTT
GGCAATGATATTGCTATTGCTTTCAGTGGTGTGTAAGATGTTGCTTTGATCGAGTATGCCCATTTAACTGGTCG
ACCGTTTAGAGTTTTAGCTTGGATACTGGAAGATTGAATCCAGAAACATATAAGTTCTTTGATGAAGTGGAA
AAACATTATGGTATCCATATTGAGTACATGTTCCCTGATGCTGTTGAAGTTCAAGCATTAGTTCTGAAGCAAAGG
GCTGTTTTCTTTTACGAGGATGGACACCAGGAATGCTGCCGTGTGCGCAAGGTGAGGCCTCTGAGAAGGGC
CTTGAAGGGACTAAGAGCATGGATCACTGGTCAAAGGAAAGATCAATCCCCTGGTACCAGGTCTGAGGTTCC
TGTTGTGCAGGTGGACCCT

>trans_s_3336 AY598343|Solanum tuberosum purple acid phosphatase 1 (PAP1) mRNA, complete cds

TCTTCAAACACTTTTGCCACCCCCGGCCCCCTGTTTCTTTGGTCCCTCCCCGAGATTTCCCATGGCCGCC
GCTTCCAACCACATCGTCCGACTTCTAATTCTCTGCCTTCTTATTGCCTTGAGTGGCGTCCTTCTACCCGTGCC
GACCTCCCCCGATTGCGCCATCCCTCCAAGGACGACGGCTCTCTCAGCCTTCTCGTCCTCGGAGACTGGGGAC
GAAACGGAGATTACAACCAATCAGAAGTTGCCCTTCAGATGGGGATCATTGGAGAAAACTAGAGGTGGATT
TTGTGATTTCAACGGGCGATAATTTTACGATAGAGGACTAAAGGGTACCGAGGATCCAGCATTTGAAGAGTC
ATTTTCAAAGTATACACCGCACCGAGCTTGCAAACGGAGTGGTACAGTGTATTGGGGAATCATGATTATAGA
GGAGATGTTGAGGCCCAACTTAGTCCAATTTGAAAAAATTGGATAATAGATGGATTTGTTTGAGATCTTTTAT
AGTTGATACAGAAATTGTGGAGTTTTTCTTTGTGGACACAACCCCTTTGTGGATAAGTATTTAATGATCCTG
AAGATGAGATTTATGATTGGAAGGCTATTCTACCAAGGCGAAATTACCTTTCTAACCTTCTCAAGGAATTGGAC
TCAGCATTAAAGGATTCAAATGCAAAATGGAATAAGTTGTGGGACATCACACTTTGAAAAGTGCTGGGAGT
CATGGTGATACTCAAGAACTACTTACCAACTACTTCCCATTCTTGAGGAAAATAAAGTGGATTTCTATCTGAA
TGGACATGACCATTGC

>trans_s_3337 NM_001068508|Oryza sativa Japonica Group Os08g0459300 (Os08g0459300)
mRNA, complete cds

TTTCAGTGGCCATTTCTGTTTCTTGAAGCTTATGGTTTCAAGTTTTGTGTATATACTGCATTTTTTGGTTCTAGA
TTTGAAGATTCTCTTCTGGGTATGTTGTAATTGATCTGCATTTGACGTGGGAGCTTCTATTTATTTGGTCATTTG
CGAATGTAATGCTACTGGGTCTCTCCATTCTGACCTAAACAATTGATTGGCAACTTCAATTAACGGCCACGAAC
ATCTCTAAGTTTCAGATCTGTAACATAATCTGCAGCTTTTCGTTGTTCAAACTGTGGTTCGAAGTTACACCTGCGT
GTCACTTCTCTAACAGTGTGGCCCTTCTTTGATTGATGAGTTTCTGTATTTTTGTTTTCTTCTTGAGAGTAT
GAAGTAATCCCTTCTTCATGTAGGCTTGAATCGAAACTTACTGCTATTGTTTGAACAGTTGCAGCAAATGT
GACCGATAACCTGCTGATAAACTAGTAGATGTGCTGAACAAGAACAGAACGGCTCATAAGTTATCTCCTCTA
AAAGACAATCCTGGCTTGGCATGCCTTGCTCTTCAGTATATTAAGGCGTACCAAGGGAAATGTGAAGCGGTTG
GAGGTCCCGACGGAATGAAGCCTCCTAATTCTGCGTTTGCTGAACTTTTGCTCCTAACTGTGGCGTTGTTGTA
TCGTCTCTTGACCAATTACGGGGCGGTTGCTCGGTTGCCAGTCTAAATATGTACATGCTCCCGAAGCATTTTC
TGATGTTTTAATGGAGAATAACAAGAGCTTGAGAGATTCTTACTACAAGAATAACACTGAAATTGGAGCTGCT
GTTACTG

>trans_s_3338 BT012524|Arabidopsis thaliana At1g20890 gene, complete cds

ACGCCTCTGGATTTTCCCCCTCTCCTCTCGAATTCGTAAGATTGAAGGTTTATGATCTTTCAATTATTCATTT
ATTCAAGTTCATGCCTTGTCAGTTTGATTTGGATTGATGTTGGGAGGGATTGATATTGGTTGAGAGTTTCC
ACTTATGTTTTGTTGTGGCTTAACAGTAAATGATTTGATTCTCCTTCTCCACCGACGTGTGTAAACAGAAAAA
TTTGTACTGTGGCAGGCTAGTTAAGTGGAAGGTAGTGGTGTATTGAACGAGAAATGCCTCATTCCTCGAGG
GATTTATATTTGTACTTTTTACGTTCTCGTCATCATTATGAAATGGCCGATTTTCTGCCTGAGTAGTATGGTCG
AGAGTAAAATTTTAAATGTTGGGGAGGAGCTATGGAGGGAAACATTACCATTACAGATGGGTTCTCGCTTGT
ATCGTCTTCAAGGACTCAAACCTGATACGTGGTATGAAGTGAAGATATCATACCCGGGATCTATACCTGCTAG
CTTCTCGTTAGAACTAAAGAGAGACTTGACAAGCCCTGTTGAGAAGCAGAGCAGAAAGTTACTTGATACTGA
GAAGCTTATTTTCAAGACAGAGGGCATGAAGTTGCAGGGAGATCAGGTTGATGCGCATGTGTTGGTAACTGT
GAAATCCGAGGGAGTTGTTGCCATACCATCTGTACGGGAAAGGGAGTCGATCGTCTTCAATATAGTTTGTGAC
GAACTACTTATTGGCATCCACACAAAGCTTGGGGGGTTGGAGGCTTGGTTATATTCTGCTTGATATTGGCATT
CATCATCCCATCTCTTT

>trans_s_3339 AF153276|Populus tremula x Populus tremuloides pumilio domain-containing protein PPD1 (PPD1) mRNA, complete cds

TGAATGACAATAAAATTCAGTCACCAACAAATGGGGGCTTTAGCCTCTTGAGTCAGAGAAAAGGGATTACTG
GCGGTAATTATGGAAATTCTTCTAACATGAGTGGCATCATTCAACTTTTCAAGCCCATCTCTTCAAGCCCTGCTT
CACCTCATCTCCAGTAGGTGGGGTGAATTATCTTGGCCGACGGAATGAAATGTGGTTTCTTCAAGTTTAGTT
CGTAATGCAGGGGACTATTCTGGTTGGCAGGGGAGAGGGGCTCCAACAGCTTTGATGACTCCAAAAGGCAC
TCTTTTCTTGAAGAATTGAAATCGAGCAACGCACGGAAGTTTGAAGTTTCTGATATTGCCGGGCGTATTGTTGA
ATTCAAGTGTGATCAACATAGGAGTCGCTTTATTCAACAGAAGCTTGAGCACTGCAGTCCCGAAGAGAAGGCA
TCTGTGTTTAAAGAAGTTCTTCCACATGCCTCTAACTAATCACTGATGTTTTTGGAAATTATGTTATCCAAAAG
TTCTTTGAACATGGAGCTCATGAGCAGAGGAAGGAAGTTGCTGATCAACTTGCTGGACAAATATTGCCTCTAA
GCTTGCAGATGTATGGTTGTCGTGTGATTGAGAAGGCACTCGAAGTTATTGAACTGGATCAAAAGACACATCT
CGTGCGAGAACTTGATGGTCATGTTATGAGATGCGTTCGTGATCAAAATGGGAATCACGTTATACAGAAGTGT
ATAGAATGTGTTCTTCAGAAAGAAATTGGTTTTATAATTTCTTCTTTGAGGCCAAGTCGCCACTCTTCCACTC
ATCCATATGGCTGCC

>trans_s_3340 Z48977|N.tabacum mRNA for phosphoglycerate kinase (chloroplast isoenzyme)

TTACATTTTACAAGGCACAGGGACTTTCAGTTGGTTCATCTTTGGTGGAAGAGGATAAGCTAGAACTAGCGAC
CTCCCTCCTTGAGAAGGCCAGGGCTAAAGGAGTATCCCTTTTATTACCAACCGATGTCATCATTGCAGACAAGT
TTGCTCCTGATGCAAACAGCAAGATTGTCCCAGCATCTGCCATCCCTGATGGATGGATGGGACTGGACATTGG
ACCAGATTCCGTAAAGACATTCAATGATGCTTTGGACACTACCCAAACTATCATCTGGAATGGACCAATGGGA
GTGTTTGAATTGACAAGTTTGCTGTGGCACAGAGGCAATTGCTAAAAAACTCGCAGAGCTCAGCGGAAAG
GGGGTGACAACCATCATTGGAGGTGGAGACTCGGTTGCAGCCGTGGAGAAGGTGGGAGTTGCGAGCGTCAT
GAGCCACATTTCAACTGGTGGGGGTGCTAGTTTGGAGTTGTTGGAAGGCAAAGAGCTACCGGGTGCCTCGC
TCTTGATGAGGCCGTACCTGTCGCCGTGTAGGTGATGAATTATTTCGATTTGATTTTTTTTTCTCCATTGC
AGCTGAATGCTTAAATTGCAATGTGTAATAGAGAAATATATATTGTCGTAGAAGAAGATGAGTTTTTGTGTA
AAAATGGTATCTTCAACTGTTGTTCCCTTTCTGTCTCTGCATTGGCTTCCCTTGCTTGCTGGGAACAGACTGTA
GGGATAACAACCTGCTTAAAGAGTTGTAATAAATTTGTGGATGGATGTCCATTTTCTCTTCGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3341 NM_118915|Arabidopsis thaliana FEY (FOREVER YOUNG); binding / catalytic/
oxidoreductase (FEY) mRNA, complete cds

AGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGGAGAGTTTCCCAAGAGAGAGGTTACTTGTTTTT
CATTTCCGATCTCGGCATTGAAGTTTGGGAGCAGCAGCTGTATGTAAATGGAGGATTCCACGTCTTCTTCCGAT
GAACTGAAGAAGAAGGATATGGAGCATCGGAAGAAGAAGAAGGAGAACAAACAACAACAAGAAGGGGG
CGTTGGGTTGGGTTGAATGGTTGAGAGTTGGATGTACGTCATTACGAGATGTTATTCCAAAGAATCATGGC
CAGCCATCTGCAGAATCCTATGCCTCTTCTCCCGTTAACGACCTTACTTGCATTGTTACCGGATCCACCAGCGG
TATTGGCCGCGAGATTGCCAGGCAATTGGCTGAATCAGGGGCACATGTTGTCATGGCAGTAAGGAACCCAAA
GGCTGCTCTCGACTTGATCCAGAAAGTGCCAAAATGAATGGTCTGGCATGGGCCTTCTCTCAACATTGAGGTA
ATGCAACTTGATCTTCTATCTTTGGATTCTGTTGTGAGATTTGCCGAAGCATATAATGCTCGTATGGGACCTTTA
CATGTTCTTATCAATAATGCAGGAATATTTCCATAGGAGAGCCACAAAAATTTCTAAAGATGGTTATGAAGA
GCACCTGCAAGTGAATCATTTGGCACCTGCTTTGCTTTCAATATTACTCTTGCCATCCCTTATCAGAGGTTCCCC
AAGCCGAATAATTAATGTGAACTCCGTTATGCACTATATTGGCTTTGTTGACACGGAAGACATGAATCTTGGTT
CATCNGAAAGGAAATTCAC

>trans_s_3342 NM_001125635|Arabidopsis thaliana EDA39 (embryo sac development arrest 39);
calmodulin binding (EDA39) mRNA, complete cds

TGAAACAAGATATGAACTACTCAAATCATTCCAGGCAGAAAGAAGGATGAGTTCCATTTACATGAAAATGCGA
CAAATCAGAGGTTTTGTTAGGGGCACCAGAGGCAGAAGCTTTAGATGGGCGCTGTCACAGACTCACAGGCAC
CCTGGGGCTGGGAATCCCATATATGAGAGCCTAGGAGACATCCTGATTTTCGGGCTCGGCCGTGGTGAAGG
TATTGGAAGCGAGCCTCCGAAGAAACCTGGTGACGGTCTTGGTGACAAGTTCACTTGCTCCAGTGCTCGTGCT
TGCAACTCTGCTGGATACTCCTTACACAACCTATTCTGGGGCCAACTCCACTGCTCCATCTGCATAGCAAGCG
CTTTGGAATGTCTATCAACGCTGCCTCTCTGCTGCTACCCTGATTTTCTTGCTGCTCATTAGTTGTAACCAACTT
GACGGGTACTGCCAATCAACATCATCTGCAACCATGCCTTGTAAGATGTTGCCGAGATGTTTCTCCCTCG
TGTTGTTAAGCGAGTAGTTGTCATCATCTACCGAACACCTCTGAGTAATTAGGAAGAAATCCCCATTGAGAAA
ATATCATGCAATCTGAAAAGAAGCTGATATAGAAAATTACATCCATGTAGTTATATATCTAATTTCTTACCTTAA
CGTTGGTCAAGTCCACTGTATGTTCTTCAAGGAAACTAATGAACTCCTTAAATTTGTTCTGTTGGGAGGTAA
TGACCACTGTATGGCCATATAGCCTAAAGAAAATTCAAATGAAAACATCACCTATGAATTACTCGTCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3343 AY109000|Zea mays PCO134375 mRNA sequence

GGTTCCATTGACAAGCATGGCTTCTCTCCCAACGGCCGCTGCAATTGCCAATGTTGCAAAAACTGCCACCAATG
CCCGCTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCATAACTTCGACCATTGTATCCCCTTCTTCGCTCTACCTCGAA
CTTTTTCTCGTTTCACTCCATCCCTTCGTAAGGATAATGTCGCCGGAAGAATCTCCAGAAATGGTACACGGTTT
CCGTTCTCATTTTGCCTACTGCATCCACTGAGCCCGTCACCAGTGACGCCTCCATTGCATCATCTTCCACATCA
ATGGATAAGGGCGACGATGATCCGGAAGAATATTAAGAATGCGGCTGACATGCTCGATATTAGGGTTGGA
CGAATCATTAAAGGCTTGAGACATCTGGAGGCTGACACTCTTTATGTTGAAGAAGTTGATGTTGGTGAACCCG
AGCCGAGGCTTATTTGCAGCGGCCTTGTTAAATATATCCCTCTCGATCAACTTCTGGATAGAAGAGTTGTTGTC
CTTGCAAATTTGAAGCCAAGAAATATGCGAGGCATTAAATCTTGTTGAATGCTAATGGCTGCTTCTGATTCTTT
GCACGAGAATGTTGAACTTCTTTGCCTCCTGAGGGTTTCGATTCCAGGCGAAAGAATATGGTTTGGATCTGAA
GATGAAAAAGGCAACCAATCTGATGCTGCTTCCCCAAACCAGAAAAGCTTCAATGGTGTCTTACATTCCTGAT
GAAGATCTGACAAGACTTTCTGGCGTCAAATTTCTTCACATATTCCCAGACTCATAGCTCTGTATTCAACCACAA
CACTGCTCC

>trans_s_3344 L36823|*Stylosanthes humilis* cinnamyl alcohol dehydrogenase (CAD1) mRNA,
complete cds

TCGGGCAACTCATCTAAGAAGTGTAAAGCAAATCCAAATCCTTCCCCTCCCTGTTGTAACATCCCCTCCTAAT
GATTCTTCAGACAATGATAAGGAACGACAAACAGCGATGGGTGATGTATCCTGTAATGAGTCTATGCATCAAG
CCTTTTCACGATCCATATCTTTACCAGTGCCTGCAAAGCTCGTATCTGCAATGAAAGGTAGCCGAGCACAACAC
TATGGGGAGTCACTAAGATGACTGTGACATGGGCTCCTGATGTGTATGACCCTCCTCAGACATCGTTGTGCC
ATTGTGTCAAAAACAACAAGAAGCAGCAGAAATCAAAGAACAGGAAGAATGGGAAGAAAGGACAGAAGGG
CAGCAACTCTTCGCGCGGGAGTGGTGGCAGGGACAAAAGGCAGGCTCGTAAATCTGTTGGTAGTTCTGATCG
GTATCAAAGATCATTTAACTCTCAAGAAAGTTTGGTTAATACTCTCAACGAATTTGAGAGTTTCGACGACGGG
AGCTCAGACTCTCACTGTGGAAGCATCTTCCTGAAAACATCAGTCACCAAGGTGCACTACTCTGTTACTGAAGC
CTTGTGAGCGTTACCTGTCCAAGTTTTCATCATCTCTCACAGTATTCTGTAAATAAATAAAATGTTGTTTTGGTT
TCGTTTGTGATTGTTGATGTCTGAGATGCTTGGACCAAGAAATTGTACGTTAACTCGTTTGTGTTTGTGTTGTAT
GAGAGATTTATAGACCCTTTTGTATATGACGATGTTTGTGTTAATTTCAACACTGCGGAAATGATATGTTACTAT
GGTTATGGAAAAAA

>trans_s_3345 FJ11705|*Solanum lycopersicum* UDP-sulfoquinovose synthase (SQD1) mRNA,
complete cds

AGAAGGATCGGATAAGCCGAATATGCTCTCGGCTACGATTTGGATTCTTTCTCATCAAAGATAGCGAACCAAA
AGTCCTGCCTCAACCAATTTCCCAATCTTCGCACTTCATGTTTCTCAGCATCTCGATCAGTTTCACTGCTTTAGT
TACTCTTTCTGAAGATTTCTTCTGACACCCTGAATTACGGTTCAGAAGCATTAAATATTCTGTGGAACACGTTGA
TATGGCACATGTTCTTTCAACTTCATGCTGTTTGAAGATCTCCTCCAGCAAGAAATCTTACTTCAAGCCATCAAC
CGATAATTTTACCTCATTTTCCTCGTCATTTACTTCAAAAGTATGTAAATCACCAATGCCAAGGCTTGTCTGGCA
AGAAAAGGAACTCCCAGGAAAGTGCAATTGTCCGAGCAACTACACTTCCAGCTAACCAGGAAGCCCCCTTCCACT
CAATCCAGCTCTGGATCTCTCGATGCCTCGAATGGATTGTCTAAGACAAAGCGAGTAATGGTCATTGGTGGAG
ATGGTTACTGTGGCTGGGCTACTGCTCTCCACCTCTCCAAGAAAGGTTACGAGGTTGCCATTGTTGATAACCTT
GTCCGTCGTCTCTTTGATCATCAGCTCGGTCTTGACTCATTGACTCCCATTTCCTCCATCCACAATCGCATTGCT
GCTGGAAATCTATTACTGGGAAGACTATTGAACTCTTCATTGGCGATATTTGTGACTTTGAGTTCTTAACAGAG
ACCTTCAAATCATTTGAACCTGATTCTGTCGTCCATTTGGTGAGCAACGCTCTGCNTCATATTCTATGATCGAT
CGATC

>trans_s_3346 XM_002873790|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* peroxisomal protein PEX19 family
protein, mRNA

AAGACCCTTTTCCCGGGCCAGTTTTGCGACTGGCTAACACTCAATCTCTCCAAAACCTGGGATAAACCGATAGA
ATCAGAGCAAATTCTCGAAACCCACTTGCGTTTCATCCATGGCCGACCATTCTGATGATTTACACGAACTTCTA
GATAGTGCTTTGGATGATTTTCAGAAATTCGACCTTAATCCTTCCCCTTCGAGAAATGGAGATGGGGGGGAGA
GTAGAGCGGTTCTTCCTTCTGGGGTTCAAGGTTTAGGGATGGGTTTGCCTGACTTGAGGAGCAAGAAAAAGG
GGAAGCAAAAAGTTTCGAAGGAATCGCATGTTTCTGAAGCTCTTGATAAGCTCAGAGAGCAGACTAGAGAGG
CGGTTAAGGGGCTTGAATCAGTGTGAGGTCCTAACCTGGTGTGATGAATTTGGTAAAGATGCTTTGATGGA
GGATTGGGTGAAGCAGTTTCGAGGAGATGGCTGGCTCTCAGGACATGGAATCCATTGTTGAGACCATGATGCA
ACAACTTTTATCCAAAGAGATTCTCCATGAACCAATGAAGGAAATAGGAGAACGATATCCCAAGTGGTTGGAG
GATCATAAAGCAAGTTTGAGCAAAGAAGAATACGAACGCTATTCTCAGCAATACAACCTGATAAAAGATCTCA
ACATTGTGTATGAACGCGAACCTGACAACTTCAATAAAATTGTGGAGCTCATGCAGAAAATGCAAGAATGTG
GCCAACCAACCAATGATATTGTGCAAGAGCTGGCACCTGATTCGATTGTCTAATCTTGCACAACTATCTCCA
GAAATGTTAGAGTCGCAGCCGAA

>trans_s_3347 AB104856|Daucus carota DcADH mRNA for short chain alcohol dehydrogenase-like
protein, complete cds

TTCGAGACACTATGTTGTCCACCAACGTCTTATTATTCAGCAACTTTTCTACAAGAGGGGTATTGATATACCAG
GGTGCAACACCATTGACCCTGATATTGTCCTTGCCCATTCACAAGCAAGATATTTGGTCAGTTGATTTATTGC
AGATTTAGTTGCAGCATAAATGGAACCACTTCCAACGCTCACGAGACCACCAACCGAAGAAATGAACACAATG
CTTCATTTCCAGAAGCTTTTAAAAGAGGATGAGAAAGTTGGGATAAATGATATGCAGATTCAAAGTTTGTTG
TCATCAATGTTGAAACATCTTCCAACTGTACTCGGCAGTTGGCTTCTTATGTTTGTTCCCGCATTGTTTACCA
GGATATTGAGAGTACCATTGAAAGAAGACGCCACTTCTGTATCAGCTCCTCTCTTTGGGTTCTTGAAGAAGC
ATCACAAACCGATCCAGTTACCACAAAACCTTGGCCTCCCATTCTTCAAGCACTGATTGAGGTCCGATTGGT
TCCGGGAGCAGGTGTGGACAGAGGCGCCAAACCTGCTAGTTCCTCCACCACAGCGTGACCGATTCCGCGAG
TGCCGCCGGTGATGAGAGCGGTCCCGGCCGTAATGGGACTGGAATCGAATTATGTATCTCTTGCATCTACATA
TGTACATTAACGAAGGAAGGAAAACTAACTCTATGCTGCAGCATTCTGCTTAATATATCGACATTTTCCGATTT
CAAATAAAAAATGGTACATACATCATTCCAATTTCTATACTAGCTGTTTAAATTTTAAAATATAACTGCTGCGACT
TTGACGACACACCT

>trans_s_3348 NM_102985|Arabidopsis thaliana ATNAP6 (NON-INTRINSIC ABC PROTEIN 6); protein
binding / transporter (ATNAP6) mRNA, complete cds

AAATTGAAATTAGCATCAAATCAAGGCGGCGACTTCCATTCTTGAACCATAGTCAAGCTTCTTCTTCCACGGC
TACCTTCACATTTACTCCCCATATTGGAGGTAGGCTCCCAACCCCATCTCTCTCAGTTTCATCATCATCATCA
TCATCTTCTTCTTCTTCTTCAAAACGAAAACCCAAATTC AATTCCATTACAACCACAAGAGTCTCCCTTCAAGCCT
CCACACCTTCACTTTCTGACCCCTTTGTTCTTCAACTAGCCGAACTCTCGAAGACTCACTCTCTTCTTCTTCT
TCATCGCCTTTTCTCTTTCAGAAACTCAGAGAATCTTCCGCGGAGAATCTTCTTTCTACCCCATGGCCCTCTCGT
AGAGATGAGCCCTTTCGTTTCACTGATGTTTCTTTCATTAAGCAGTCCCAAATCCACCCAATCTCTAATCCACCG
CAGTTTTCTGAGTTACCTAGCATCCCTTTAGAAACCCAGTTCGCCAATGTTGTAATTGTTGATGGTCATTTCTGTC
AATTCTGTTTCCAATTTGACTGAATTGCCAAATGGGGTTTACGTTGGTAGCTTTATTGACCTTCTTCTGAGAGT
GTTGGGAAGAGGGTGTCTGAGTTTGTGATGGGAAGTTCGCGGGGGGACTTGTTTTGGTCCATTAATGGCGTT
GGAGCTCCAGATTTGACTGTGGTGTATGTTCTGCTGGGTGTAAGGTAGAGAATCCAATCCATTTTAGGTATT
ATTCTATCAACGGGGGCGATGAGGGGGCCAAGGAATTGGCTGTTTCGAATCCCAGAGTGTTGGTTTTGGTGG
AAAT

>trans_s_3349 XM_002877905|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata universal stress protein family
protein, mRNA

TTTAAAGCAATTCGAGCTCCGCGTTGTCTCTCCCTCACGTTTTCTTTCAATCCCACTGCTCCTCTTCACCA
ATAAAACAAAAACGCCTCAAAGAAGAAGAAGCAACGACCAGAAACCTCAAAAATGGTGAAGGATCGGAAGA
TAGGAGTGGCTCTGGATTTCTCCGACAGCAGCAAAAATGCTCTCAAATGGGCCATTGACAACTTGGCCGACAA
GGGTGACACTCTCTACATCATCTACGTTAACCCCAATTCCTCAACGAATCTGCCCATCGCCTCTGGGCTGAAT
CCGGTTCTCTTTGATTCCGTTGTCGGAATTCCGAGAGCCTGAAGTTCTAAAGAAATACGATGTCAAAATCGAC
ATCGATGCCCTCGATATTCTCGACACTGGAGCTAGACAGAAAGAGATTACGGTTGTGTGCAAGCTGTACTGGG
GAGATGCGAGGGGAGAAGATCGTTGATGCAATCGAAGATCTGAAGCTGGATTCTCTTGAATGGGAAGCAGA
GGATTAAGCACCATTGGAAGGATTCTTCTTGAAGTGTTAGCAACTACGTGATTACTCATGCTCCTTGCCCTGT
TACAGTCGTCAAGGATTCAAACCTTCCGCATCATTAAGGCGTGAAATCGTTGATTACGGGGTTTTGTTCTTAAA
TCGAGTGACCTTATTTACTAAATATTATGCCTCAATTACTGAACCTCTGAAAATTCTAAAAAATTCTGTTTGCCT
CTTTGAAAACCTTGCTTCCCTGTTTGGAGGATAATAAAATATTTGAAGAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3350 NM_001074823 | Oryza sativa Japonica Group Os11g0620000 (Os11g0620000)
mRNA, complete cds

AGATAAAAATGGCGGGACTGAGAAAACCTGGCTATTGAAACCCATAGTCGATGAAGCATTGGCCGGAACAATT
TTTGTAGGGAAGTTATTTTGTGGCCTTCATGTCGCCAACACTTACATCTGCACAGCTACTTTCACCTACGGTCCC
AGCACGCTCCCTACTCTTAACCTAACCGGTGATTTCTGCTCGGCCGAGCGGCTCTCAACTCGCTTTTCGGCAGAG
TCGGTGTTGGAGACATTCTGCTCCTGTTAGATCTCCTGAGAATCCTCGTAAAGTAGTGGGTAAGCGCTTGATTA
GGAATGGAGGGTGATTCTGTTACCTATGTTGTAGACCCGAAGAAACAGTGATTGGAGCGAAACTGTTGTGGT
TCCTAAGGGGACGTTTGGATAGAGGGAGATAATATCTATGATTGAGAGATTGAGAAAATTTGGGGCCGT
TCCATACGGTCTTCTGCAAGGGAAAATATTTTGGAGGATATGGCCACCTAAGAATTTTGACAGTTGGAGAA
AAGAAAATCAAACGAGACGGTCTGGTGAGAAATTTACAAGTGCTTTTTGTATACTTCTGTTTCTGTCTCAG
AAGTTATGCTGATGTCATCAGTCAACGTCGCTTGTGACATTGATGATCTACGCAGATGAAGGTAAATTCTT
CATTAGCATTTAACCTCCGGAAGGAGCTCCCTTTTATGGATCTTCATGCATTGGTTCTTTTCAGAAGTCTTTCT
AGATTTCTTATTGTATACTATTGAAACTGAAGCTTTTGCTGACTAAACATTCCCAATCACTTCACTTCAGCATAA
CAAATCATCTCGTAA

>trans_s_3351 NM_001049073 | Oryza sativa Japonica Group Os01g0238600 (Os01g0238600)
mRNA, complete cds

AACGCGAAATTAATTTCTTAGGGTTAGGGTTTTGACCCTCAGGGTTCGATTTTCATTCTCCATTTACGTTCCAT
TTTCATCGGCAACAGGAATTCGTTCAAATTCCTGGATTTCCATGGCGACGCCAGCAGCGAATGCTCCCGCAAA
GAGGAAGCCTGTTTTCTGATAAAGTAGAAGAGCTAAAGCCTGGAACCAGCGGCCACACTCTCACCCTCAAGGT
TGTGAGTTCCAAAAATGTTAAGGTTGTCAATAAAGGTGGACGATCCACCATGCTTACTGCTCGCCCTCAGCAA
TTAACTCGAATCTCTGAATGTCTTGTGGTGATGAGACTGGTTCATCGTCTTCACAGCTCGAAACGACCAAGT
TGATATCATGAAGCCAGGAACACTGTGACCCTAAGGAATGCAAAGATTGATATGTTCAAAGGTTCTATGAG
GTTAGCAGTAGATAAATGGGGACGAGTTGAAGTAGCTGAACCAGCCAACCTTTGAGGTTAAAGAAGACAACAA
TCTCTCACTGGTTGAATATGAATTGGTTAACGTTGAAGAATGACTTGAAATTATGCAATGTTAATTATCATGGA
TTTACTTTCTTTATTGTGTGGTGGACTGCTATTTAACTGGTATACATTTTCTATATGGCAACACAAAAATCTTGC
TGAGAGTAATATAAGTTGATTATTGATGTGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTGATAAAGATCTTC
AAGGGCAAAGTGCAAATGTTACTTTCTGGTCTACTTATTATTTGAAAAGTAAATAGAATGCTTTACCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3352 NM_001054306 | Oryza sativa Japonica Group Os02g0686500 (Os02g0686500)
mRNA, complete cds

ATTGTCCAAAAGTAAACAAAATGTAAATCAATCAGCTTGAAGACGAAGACTGTATCCATAACCCAAACACAAC
ACTTCAAAATTCTTCTCTCTTTCTCTTTCTTCCGAATTTCTCCCCAATTCCTTGTTTCGGTGGACAGGAATTTG
TTTATCATATCTGATCCATCTTCAGATGGAAAAATTGCCACCGAAATCTGCTTGAAGATTTTCTGCTTCTTGGA
TTCCCAGAACCTTGCAACCGCACTTCAAGGAAGTGGAACCTTAGCTTCAGACAATATCTTGTGGTCAAATTT
ATTCAAGGAGAGGTGGGGAGAAGACCAAGCTGCATTTTATCATCCAAGTGGTTCAAAGTCATGGAAGGATTC
ATATGAGGTGCAAGATCGATGTGATCGATTTGGACTCGGCCTAAGAATTATCCGAGAAGGGAATGACTACTA
TCTCATTACCAAGGTGAAATCCAGAGGCACCTAGGTTCAAGAAGACAAAAGAATGGACAGACCAGTTTTCTT
CCTTTGAGTTCGAAAAGAGAGTTCCTATCAGAAGGACTTCTCGAAGAAGACAAATCCTGTCGAGGAATTCTGG
ACAGGATCCTTTTCTTCATTGGAGACTTGGAAGTTGCTTCCACAGATGCAAAGCGTAGCAGGTCTCTGTGAAG
CTTCCTTCAGTCAACAAAATTATGTGAATTTATGTATAATATTTTATATTTGTTTATGTTGACATTGAATACTG
GCAAATGTAAAATATACATCTCAAGTTCTTTTGAATGCCATAATAAATTCATCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_3353 NM_103125|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S18 (RPS18B) (AT1G34030)
mRNA, complete cds

AGAATCTGATTGACAATATATAAAATCCTTCTCCACTCACCCTCAAAGATCTCCTCTGGTTCTTCTCTGCAGTT
GCGCCGCCGGAATTCTTCCAACCCCTTGCCTCTATCTTCATTGCGCATGTCACTGGTAGCAAACGAGGATTTT
CAGCACATTCTGCGTGTGCTCAACACTAACGTCCATGGGAACGCACCTATTATGTTTGTCTCACATCAATTAA
AGGTATTGGAAGACGTTTTGCTAACATCGTTTGCAAGAAGGCTGATGTCGACATGAACAAGAGGGGCTGGTGA
ACTAACTGCTGCCGAGTTGGATAATCTCATGGTGGTTGTTGCCAATCCACGACAATTTAAAATTTCCCGACTGGT
TTTTGAATAGGCAGAAAGACTACAAGGATGGAAAATATTCTCAAGTAGTTTCAAATGCATTGGACATGAAGTT
GAGAGATGATTTGGAGCGGTTGAAGAAGATTAGGAACCAACGAGGTCTAAGGCACTACTGGGGCCTCAGAG
TCCGTGGTCAGCACACTAAGACCACTGGTCGACGAGGGGAAACTGTGCGGTGTCTCCAAGAAGCGTTGAGCAT
TTGCTTGTTTTTATAGTCGAGTATGTGTTTGGGCAAATCAAGTTCTTTGGCCTTTTAGTTGAACATTTGAGCTGT
ACTTTCTTTTTGGAACTTTTGTTTGGGATGTGGTATTTTTGTTTTAAGTTTAACTCTTTTTTCTATGTCTTTGATT
AGGCTAGAAAAGGAAGTTTGATAGTGGCAAATGGTAAAGATTATGAATCCATATTGATCCTTTTGGTGTGAAA
AAGTGTGAGAGA

>trans_s_3354 AY066012|Cucumis melo aminotransferase 1 mRNA, complete cds

AGGATCCATATGTGCACTTGATTTTCGAATGGATGAATGGGGAGTCGACGTTGCTTTAACTGGTTCCCAAAG
GCTCTTTCTCTCCCTACAGGACTTGGAATTATTTGTGCCAGTCCCAAAGCACTAGAAGCATCCAAAACCTTCAAA
ATCTGTCAAAGTCTTCTTTGATTGGAAAGACTATCTCAAATCTACAATCTAGGAACATACTGGCCATACACCC
CTTCATTAGCTCTTGTATGGATTAAGAGCAGCTCTCGATCTTCTTTTCGAGGAAGGTTTGGACAATGTGATT
GCTCGGCACAGTCGTCTTGCAAGCAACAAGGCTTGCTGTGGAGGCTTGGGGGTTGAAAAATTGTACACAA
AAAGAGGAATGGTTTAGTGACACTGTTACTGCTGTGCTTGTTCCTTCTTACATTGACAGTGACAAAATTGTGAG
AAGGGCATGGAAGAGATACAATTTGAGCTTGGGACTTGGCCTTAACAAAGTTGCTGGCAAAGTATTGAGAAT
TGGTCACCTTGGAACCTTAATGAGTTGCAACTGTTGGGATGTCTTGCTGGTGTAGAAATGATACTGAAGGAT
GTCGGGTACCCTGTTAACTAGGGAGTGGAGTTGCTGCAGCTAGTGCATATCTTCAAATAACATCCCTCTCAT
TCCTTCAAGGATTTAATTTATCTCCCATGTCCATGTAATATTTTTCATTTTCTCATCTCTAATACTCTGTAAAAA
AAGCACTTCTCAATACTCTACTTCTGTTATATATTTTGATACTTTTTACTTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_3355 X71439|G.max gene fusA

CAAGCCATGGAGAACTATTTGGAAGGGATCGAACCTGATGAGCCTACAATTAAGAAGCTTATTCGGAAGGGA
GCAATATCTGCTTGTTTTGTTCCAGTTCTGTGTGGCTCAGCTTTCAAAAACAAAGGGGTACAACCATTACTTGA
TGCTGTTGTAGACTATTTACCTTCACCAATTGACTTGCCGCCCATGAAGGGAAGTACCCCGAGAACCCAGAA
CTGATCGTTGAGAGGGCTGCCAGTGATGAAGAACCATTTTCTGGACTAGCTTTCAAGATCATGAGCGATCCTT
TTGTCGGATCACTAACATTTGTGAGAGTGTATGCTGGTAACTTTCGGCAGGATCCTATGTATTGAACTCGAAC
AAAGGAAAAAAGAGAGAATTGGAAGACTTTTAGAAATGCATGCAAACAGCAGAGAGGATGTAAAGGTAGC
CCTTGCCGGGGATATTGTTGCTCTAGCTGGTCTTAAAGATACCATTACTGGCGAAACCTGTGTGATCCAGATC
ATCCTATTGTACTTGAACGGATGGACTTCCCTGATCCTGTGATTAAGGTTGCAATCGAGCCCAAACTAAAGCT
GATGTTGATAAGATGGCAACCGGTTTAATCAAGCTGGCACAAGAAGACCCATCGTTCCATTTCTCGCGTGATG
AAGAGATAAATCAGACTGTGATTGAAGGCATGGGAGAGTTGCATCTTGAAATCATTGTTGACAGGCTCAAGA
GGGAATCAAGGTTGAAGCTAATGTGGGTGCGCCGCAAGTTAACTACCGAGAAAGTATTTCGAAAGTTTCAG
AAGNTAAGTATGTGCACAAAA

>trans_s_3356 NM_125009|Arabidopsis thaliana dimethylmenaquinone methyltransferase family
protein (AT5G56260) mRNA, complete cds

AATTGGCTGGTTTTGTGCCTTAACCTTTCTACAGAAGAGGAAACCCCTTCTCCCTTTCAATTGGTGGAAGGCATG
GCAGCTCCAGCAACAGCAGATGTTTGTGATGCAAAATGCAGCACACGTCACAAACGGAGATCTCCGAGTGCTG
CAACCGAAATTCGAAATTTACGGGCAACGGCGAGCATTTTCAGGACAGATAGTGACGGTTAAGGTATTTGAA
GACAATGTTTTACTAAGACAGCTTCTTGAAACCAAAGGTGAGGGGAGGGTTCTGGTGATAGATGGAAATGGA
AGCACAAGATGTGCATTATTGGGAGGCAATCTTGGGCAATTGGCTCAAACAATGGGTGGGCTGGGATTGTT
GTAAATGGTTGCATAAGAGATGTTGATGAGATCAATAATTGTGATATTGGTGTAAGAGCATTAGGGACTAATC
CATTGAAGTCAAACAAGAAAGGGATGGGAGACAAACATGTGGTTCTTCAAATTGGTGGCACTTTAATTCACAA
AAGAGAGTGGTTGTATGCTGATGGTGATGGGATTTTGGTGTCCAAATTTGAGTTGTCTGTTTGAATAGATAGC
CTGATTTGAGGAGGATCACAGGAAGAAGAAAAAAACACTTTCTATTGCTTGTCTTCTAGGCTTGGTTATTGAG
TTCCTTCCAAGTGTATTGGATTAGGTTATGCTATCTCTTTCATTATACACAATGTATTTGTGATTCTAAATGAAA
GGGTGATTTGAAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3357 BT025015|Arabidopsis thaliana At1g73177 mRNA, complete cds

AAGGAAGAAGACACCGCCCCGTCCTCAATTCCCAGCCCCAATTGAAGCTTCATCCGTCTTTGTCGTCCCTTAA
CGCAAGATTTCCACGCCGCCATTCCTCTTCATCAGTCGCCCCACTATTCGCTCACGACTCATTGGCATTCCAGATC
GCTCAGACCACTGGTTGGTGATTTGTCTCAGATCCGGCTGCATCCGGTGGCCGCCCTTCGATCCTTGACTCCAA
CTTCGATATTGGGTTTTAGAACCTACCTTAATAAGAAAACACCAATGGCAGAACTTAGTCTGGGTATATTGATA
GACATTCTAGATGAGGAATGGATGAGAGACACACTCCCTCATGATGATCTTTTACTCCCTCCCGTGCTGGTTGT
TCGGGCTGATGACACTGAGGACTCAAATCAGGAGAGTCAGCCAGTTGATACTGATACTGGCATGATCTTGCC
CTAGGTAACCAATGAACCACCTTCTCCTAACTAAGGATGGTCTGTTTTCAAGAACTTGCTTCAAGTTATAAAT
TTTATTATCATATTCTTGTCTGATTTGCATTGTAGAGTGCATATTTCTATAAAATCCATGTTGTAGATTTAGG
TAGAAAGTGTGTTGTTGTGGTAAAAGAACTATGCAAGTGTGTTGTTGTGGTAAAAGAACTATGTACATGTT
GGTGGCTGTCAGTTAAGACTATTGACGGATTTGCTGTTCTTTTTGTAATTTGTTGTGTGAAGACAGATTGAAA
TTTTATTCTTATTATGAGATCTTTGTCCAATTCCATTTGTAAAAAGACTTAGAGTTGCTTAAAGAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_3358 HM122695|Malus x domestica TCP domain class transcription factor (TCP3) mRNA,
complete cds

TTATCATTGGCGAGGACAACTGATCCATTTTTTCAGGTGTGGAGATGGGTCAGGCTTGACGATTGTACTGAG
GGGTGCAAGCCATCACGTCCTTGATGAGGCTGAAAGGTCTCTGCATGATGCCTTGTGTGTACTGTCTCAGACA
GTTAATGACAGCAGGGTCGTGCTCGGAGGTGGATGGCCAGAGATGATCATGTCAAAAGAAGTGGATGAGTT
GGCTAGAAAGACTCCCGGAAAGAAATCACATGCTATCGAAGCTTTTTACGGGCTCTGCAGGCTATTCCAAC
ATCATTGCTGATAATGCTGGGTGGATAGTGCTGACTTGATTGCACAGCTCCGGGCTGAGCATCACAAGGAG
GGTTGCAATGCAGGGATCGATGTCATCTCTGGATCGGTAGGAGATATGGCAGAACTTGGTATTTCAGAAGCA
TTCAAAGTGAAGCAAGCCATATTGCTTTCTGCAACAGAGGCAGCTGAGATGATTCTTAGAGTTGATGAAATCA
TCACTTGTGCCCCCAGGAGGAGAGAAGATAGAATGTAAAGAGTGGTAATGTGTGGAAATGGGAGACCTCTT
CTTCTGCAAGGACATTGTTATCTATCTTGTGGCATATTTATTATATTGCCATCAGTGCTAATGCTAGTGCTAGTC
TTGTGAATCCTTGTTATATTTAAGGTTGGATTTTGTAGGGAGGTTGCATTTTCTTGCAAGAATTTGGGTGTCTT
TTTACTGCCGAATTTTTTCTAATCAGTGCGAGTGTAATGCTGTGTTCAATTCATCACTGACTAGAGGAGGGGAT
GAGGGAAGTTTGGGTTTCATG

>trans_s_3359 AY108334|Zea mays PCO146922 mRNA sequence

AACGCCACTCCTTTCCCTCCCCGACTAAAACACTGACGAAAGCGAGGAGTGCAAAACCTTGCCCCTTCCGATA
ATCACCCGAATATTTTTGTTTGGAGGCAGAGATCAGGCTTCCTTTACGGCGACTTAGGGTTTTGGTGAGCCTC
TACTTCGTTTTCTGTGTCGCCGATCTCTTTATGGCTTCGGAGGACGTCAAACGAAGCGAATCGGCTGTTTCTA
CGATCGTAAACCTGGCAGAGGAGGCGAAGCTTGCGCGAGAAGGTGTCAAAGCACCCAGTTACGCTGTGCTTA
GCATCTGCAAATCTCTTGTTGCTGGTGGAGTCGCTGGCGGAGTGTCTCGAACTGCTGTTGCTCCTTTGGAGCG
TTTAAAGATATTATTACAGGTCCAGAATCCTCATAGCATAAAATATAATGGAACGATACAAGGCTTGAAATATA
TTTGAGAACAGAGGGCTTTCGAGGACTATTCAAAGGCAATGGTACTAATTGTGCTCGTATAGTACCAAATTC
AGCAGTAAAATTCTTCAGCTACGAGCAAGCTTCTCGGGGGATACTGTACTTTTACAGGGAGCAGACTGGTGAC
CATGATGCTCAACTCACTCCTCTTCTACGTCTTGGTGCTGGGGCTTGTGCTGGAATAATTGCCATGTCAGCAAC
TTACCCTATGGACATGGTGCGAGGCAGACTAACTGTGCAGACAGACAAGTCTCCGTATCAATACAGAGGAAT
ATTCCATGCTCTTTTACGGTGCTCCCGGGAAGAAGTCCAAGGGCTTTTGTACAGGGTTGGCTTCCTCTGTCAT
CGGAGTTGTCCATACGT

>trans_s_3360 U66277|Cucurbita maxima phloem filament protein (PP1) gene, complete cds

GACATTACAACAAAACTTGCTCTAGACATCAAAGAAAAGAGATAGCAAGATGAGCTGTGGGTCCAAGAAGG
AGTGGATCAAAATCCCTGATTGTAATACACCTTGTGTGATTGAAGTTGCAAAAGATGCTGTGAATCAACACAA
CAAAGCGTCAGGAGATAACCTTGATTCAAAGGGTTATTGTAGGCTGGTTTTTGGAGATTGATGATCATACA
ATAAAGCATCGTTTGTATATTGAAGTAATAAACAGCAAGGGAGTAGTCTTGATAATTTCAATAGTAATTGTGG
TAGTAACAAAAGATGGAAAAAGAGTGAGAACACTCGTTTCATCCCATCATGGCTATCCGGATGAGAAGGATC
TATTTATATTTTGAACAAAATTCCTGATGTTAATCAACCTTGTGTGCAAAACGTTGCAAAGTGGGCAGTGAAT
AAACATAACAAGGATAAGAATGATTATCTAGTATATGTTTCAACTGTTGAAGGTTGGTATATTGAGGCGGCCG
ATTATTCTGGTACTCTAGTATATAAACTTCATATTAAGGCAAAGGAATGCATTGGACGTGTGAGGGACTATTGT
GCTGTGGTGAAGGAAGAAAAACCTCTTACTGAAAGAATTAGAACACTTTTAGAGTTCTTTCCTATCCCCCAAA
GAAATAAAAGTAGAAAACTTGCAATCTGTGCGGGTTTTTAATGTTATGTTATGTTATGTTTACGCCCTTGAC
TATACTATATATAAATAGCCAAGGGCTTAATAAAATAAAGCTTTTCTAAAATAAATATTATTCTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3361 AY307031|Hyacinthus orientalis cultivar Delft Blue ferredoxin III-like mRNA, partial sequence

ACAGTGACAAACAAACACGTACTTCTCTTCTCTTCTCTTCTTCCAGCGGCGTTTAGGGCTTCCCTTTCCATTT
CCATTTCCATTTCCCTCCAGATCCCTCTCTATCTCCCTCTCTCTTCTTCTTCTTACTATTCTATTCTGAACATGTCTG
ACTGTCATACTCCCAACATCTTGCCTGATCAAGACTCCTACCTAAGGAGATCCAATGCCCTGGTGCAGAGACC
ATCTTCTTTGTGTTCTTTAGGAGCGTATCCCAATCATTTGGATTGAAGTCTTCTCAATCCAAAGTGTCAGCAAT
GGCTTCTTACAAAGTAAATTAATTGGACCAAACGGTGAAGAGAATGAGTTTGAGGCCCTGATGATGCTTAC
ATTCTCGACTCAGCTGAGAATGCTGGATTGGATTTACCTTACTCTTGCAGGGCCGGGGCTTGTCTACTTGTGC
CGGTCAAGTAGTATCCGGGACAGTGGACCAAACAGATGGATCGTTCTTGGACGACAAGCAGATGGAGCAGG
GGTATGTCCTGACCTGCGTCGCATATCCACAATCCGATTGTGTGATCCACACGCACAAGGAAGGTGACTTGTA
CTAATTTGTTTGCTTGTGTGATTTTGTGAGTTGAATCTGATTAACTTCCATCATGCTACACTTTTCGAGACTA
GACTTAGTTTTGAGGTTGAATGTCTATTTTGAAGAATTATGCTCAGTAGTACTGCGAAATTTAAGTTGCTGG
TTTAACGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_3362 XM_002863421|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata structural constituent of ribosome,
mRNA

AATCGTAGGTTTCTCTCTCCGAAAAAATTTCCATTGTCCTTGAATTACGACGGCGACGACGATGCTCAGGTGG
TGTGCCAAGCTCCGATCTGCGGCGGCGAAGCCATCTCAAATTGTAAATCCGTTTCTCCACCCGCAGGATCTT
TCACTCTGCTCCATCACTATAACCAGCCCCTCCACTTCTCTCCGAATAATTTGAATTCAGGTCCCTTTTCAATGCA
CAGACTCATTCTCCGCTCGCCGCTTACCAGTGATTGCTCTTCACTCTTGCCTCTCTCTGTTGTTCAAGTGCGG
CATGTTTCATCAAGAGACCGGCGGAATAAGAGAAAGCCAACGACGCCAGCCACTTCCAAATTGAAGAAAAC
AAATTGAAAGCTTACTCGTCTTACAAGTCTAGGTTTGGTTGATGAAGGATGGGAGCATTAAACGTGCAATGG
AAGGGAAAAGGCACAATGCACATTCCAAGTCTAAAAGATCAAAGCGGAAACTGAGAAAACCTGCCATTGTCC
CATTAGCTTATGCCAAGGTAATGAAGAAGCTCAACTTTTGCAATTAGGCTATTTGGTTTATTCCTTACCTGTAC
TATTATATGGATTGAACGAGCTTCAACATCACCATTCAACTGCTTCTTCATTTTCTTTTTTGGATTTCGAACTCA
AAGCTCTTAGAACAACTAAGATGGAGAATAATTATTTCTTAGTTATATGAATTATTTCTTAGTTATATGAAGT
GATTGCAGAGATTGTTATGATTGCAAATAGAGGTTATCTTTCTATTGTAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_3363 BT005894|Arabidopsis thaliana At2g26470 gene, complete cds

ATTGTTTTTAAGGAGAAGTTCATCGGTTGCTTCTTCCACCTTTTGCCTCTCTCCACGTCCAGAACTTTCCGTTT
AGGCTGAGCTGAGCACCTTCTCCAAGGCAAGGCTTCGCCATAGCCACCCCAACAGTCAAAGCTTCTCAACTC
CACTCTTCTTTCTGTAGAACTACTACAAACACTGTAGCAAAGCATAGTAGAGACGGATGTGCGGAAGAGCCC
GTTGTACTCTTCGAGCTGATGACATCACCAGGGCCTGCCACCGCACCGGCGGTCCCGTACGCTCCCTCAACAT
GGACCGTTTTCTGTCGCTGTTCAATGCTTCCCCGGGCTCGGATTGCGCGTTGTTGTCGAGATGATGAATCTA
GTGATGGAGGAGTCGTCCTTCAAGTGCATGAAATGGGGGCTTATTCCTAGTTTTACTGAGAAATTCGAGAAACC
TAATTACTTCAAGATGTTCAATGCTCGCTCAGAGTCCATACATGAAAAGCCCTCTTTTACCCTCTAGTTCCTAA
AAGAAGGTGCTCGTGCGAGTGGAAGGGTCTACGAGTGGAAGGACGGATCAAAAAGCAGCCGTATT
ATATTCATTTTAAGGATGGGAAGCCACTTGCTCTTGCTGCTTTATATGATTGTTGGGAAACCTTGAAGGTGAA
TACTTTACACTTTCACCATTTCAACAATTCACCATCTCCAGCTTTGAAGTGGCTGCACGATAGGATGCCTGTA
ATTTTGGGGTGACAAAGAACGTATGGATATGTGGTTGGATGATTCTTCATCGTCCAAGTATGATACCGTCTTTA
AACCGTACGAGG

>trans_s_3364 XM_002309038|Populus trichocarpa HLIP/One helix protein (Lil2), mRNA

>trans_s_3365 AF307336|Petunia x hybrida ribosomal protein (PETRP) mRNA, complete cds

>trans_s_3366 NM_129357|Arabidopsis thaliana chaperone protein dnaJ-related (AT2G38000)
mRNA, complete cds

>trans_s_3367 XM_002319977|Populus trichocarpa AP2 domain-containing transcription factor (RAP12), mRNA

AAGATGGCAGGCTCGTATTGGCCGGGTTGCTGGTAACAAAGATCTCTATCTTGGGACATTCACTACTCAAGAG
GAAGCAGCTGAGGCCTATGACATAGCAGCCATAAAATTTTCGAGGAATGAATGCTGTTACTAATTTTCGATATCA
CAAGGTATGATGTGGAGCGGATCATTGCAAGCAGTACCCTCCTAAGTGGCGATCTAGCTAAGAGAAAGCAAC
AGCCAGAGTTTGACAATGAATCACTTAGACAAAGCCCTTCTACACACAACAGCAATTCAGAAGCTATGCCTCT
GCCCTCACAGAGTAGTAGTCAAAGTGAATCAGACTGGAAGATGGCTCTTTATCAGTCCTCACAGCAGCTCATT
CCAAAGCCACGAATGTTGTCTGCGATAAACGATGATGGATCACAACCTTGGAGTCGAAGATTCCGCCAGAATG
GGAGCTCATTCTCCAATGCATCTTCAATGGTTACTAGCTGCAGCTTGAGCAGCTCAAGGGAGGAGAGTCCAG
ACAAGACAAGCCTTTTCGATGGTGTCCGGAATGCCTCAATCGACATCTAAGCCGTTTGCTACCTCGGCTAATAAT
ATGAACACCTCCTGGATTGCATCTGCCCAGCAGATAAGGGCAGCAAATTGTATGAGCCAGTTGCCAGTTTTTG
CTGCCTGGACTGATACTTAAGAAAAGGGAAAAAAAGGTCCATTTGATATTTTCCTGATATAGTGCCTTCCCATG
TTGAAAGATCAAGAACTTCAACACTCCCAAACCATCCTTATCATGAAAGTTTTTGTGAGAAAAGTTCTGAATG
ATGAGGGATATTTTAAAC

>trans_s_3368 XM_002884767|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleic acid binding protein, mRNA

AAAAGAAATTGGGTCTGTGTTCTTGTGGGGATAAGAAGATTTCTCCACACTTCTCTCAGTTTCTTGAAGAAC
AAGAAGAAGTAAGAACCATGGATTCTTCTCAGCTTCTCCATTGATGCCTTTCAGATGGGCTCAAAGATAA
AGTCTCAGTGGTTGACCCCTTTTTGATTGAAGTCCTTACAACCCTCGACACCGACTAACCATTCTGCGGATGG
AACTTGATATTCAAAGGTTCTTGCAAAACCAAGAGCAGCAGGTGTTTGAGTTCCAACACTTTCCTACTTCATAC
CTTCGACTCGCAGCTCATCGTGTGCTCAACACTATGGTCTGCAGACAATGGTCCAGGATAATGGTATAGATG
GACAAGGGGAGAATTTTGGTGAAGAAAACCTGTTGAAGCTAGATTCCCAACCATTGCTTATCTCAAATACCTGC
AAAACAATTGGCTGATGATAAACCTGGGCATGTTAAAATTGCTGTTAGGCCGAAGCCGAATAAGTTGTCTGAT
GATGCAGGTAATTGTATGGCTAAGCAAAGTCATGGTAGGACTGTGGAGCAGAGGAAGGAAGAGTATGATAA
GGCAGTGCTCGAATATTCAGCAGCCAAAGTAGTGGTTCAGTGGATGTATTGTCCATACTGTCACCGAGGGG
CTTGGTATACCTCCAAACAGAGATAGGGCGGAAGATTGTAGAGTGAACGATGTTGAGAAGTATATGAGTGGT
ACAGATGCTGGGAATGGGGCTTCTTCTCGGGTTGCCATTTTAAGAGATAGGGAAAAGGATCTTAGTGACCCA
GATTATGATCGGAGTTATGA

>trans_s_3369 NR_022355|Arabidopsis thaliana (U12) ncRNA

TTAAACTAATGAGTAAGGAAAACAAAGTGGCCGGGGGGATCCGGCCGCAGCGCTAACCAAAGTGATGCGCA
TGAATTTGTGGAGGGGTAAAGGCTTGGCCGATTGTTGACGCTGCTTACTTTGCAGAACTCTTCGTGCTGGC
CTCCAATTTACCCACCCCAATTCCAGTCAAAGCCCTTTCTCCCTATTGGTTATATTATTATAGTATTATG
TATCTTGTAGATGCAATAACAGTTGTTAAATTTTATTTCTGATTTGTGCGAAAAGAACCAACCTTCTATCTAATTTT
TGGTTAAAAGTCGTAGTTCGAGTTTCCATTTGCTTCTCTACCTATGTAGGGAAACTGATCCATAACTTAATTC
AGGGGTGCTTTGGAACCATCTGGGCGTACTCTCTATTAGGCGATTGCTCACTACCTCTCAATTTAGTTCCACT
TTAAGGGGGGATTATTGCTAATGCTTTGTTCACTGCTGCACAACTTTTAACTCACCTTAGAGGTTTTGATATATT
ATTATTTTCGATCGGTTAGATCTCTTGTAATCAGAAGAATTTGAGGTGTTGTTTACTTCAGAACAAGAATTTCT
TACTGTTAAAAGGGAGGTTCAAGTTTCTTAAGACCAGCTAAGCTAAGCTAGTGGCTGAAATTCTAGTTGTATA
AGCTAAAGAAAAGAATCAAAGATGAACGATGAAACAAATCACAGATTCCAGATATAAATCCAGATATAAATG
GACAAGCGAAGAAAACCTTCTTCTGCTAGTTTCTATTTTCTCCTATTTTCAAATGCATGGTAGTGTGGGTGA
AGTTTG

>trans_s_3370 NM_127700|Arabidopsis thaliana SULA; binding / catalytic/ coenzyme binding
(SULA) mRNA, complete cds

TCCTCTTCATTTCCAGTACTTGTAGATCAACATTGTCCATCAAATCCTCCATATCTTAATCATCATTTCTCCCTCTT
CCCTTCTCTACTTCTTACTCTCTCCGCCGACACATCTCCGACCCCATTAATGGACCTCCCTCCCGCCATTTCTTTC
TCATGGAGCCGTA CTGTCTCCCATCTCTTCGCATTCTCAACACCTGACAATATGTGGCAACAGGTGTGAGT
GTTCTGTGCCATTGATGCTACAAAGATGAAAAATCAGCTCACAGTATCAATAACTGGAGCTACAGGCTTTATT
GGCCGAAGGCTTGTGCAAAGGCTACATGCAGATAAACACAACATTTCGAGTTTTAACACGCTCTAAATCTAAGG
CCAAGTTGATATTTCCGGCTAAGGAGTTTCCAGGAATCATGATTGCAGAGGAGCCGGGGTGGAAAGACTGCA
TCCAAGGCTCAGATGGAGTTGTTAACTGGCTGGCATGCCTATAAGTACCAGGTGGTCTTCTGAGATCAAGAA
AGAGATCAAGCAAAGCAGGATCAGAGTCACCTCAAAGGTTGTAAGCTTAATCAATGACGCACCGGATGCAGC
TCGCCCTACGGTTTTGGTTAGCGCAACAGCTGTTGGTTACTATTTGGTACTAGTGAAACAGCAACACTCGATGA
ACGAAGTCCATCCGGAATGACTACTTAGCAGAGGTCTTAGGGAATGGGAAGCAACAGCCCTGGAGTAAAC
AAGAACGTCAAAGTGGCTATTATCCGTATAGGTGTTGTTCTTGGTAAAGAAAGGGGTGCTTTAATATGAGAGT
TTGCCCTTATTGT

>trans_s_3371 AF272756|Zea mays kinesin heavy chain (KIN9) mRNA, partial cds

ATATTCAATGCATTTACATTTGTTTGAATATTTGAAAACAGCCTGCGTGGGGATTGAGACGAATATGTTGGGG
TAAGGAGCAATGCCATTGGATTTTCATATTATCTTTTCATGACATAGTATCAATAGCGTAAATAGGTATGTTG
ATATCACTTTCTTCATATTTCCATCCTCCCTCCAATTAACCTGGGCCAGTTTTTGATTGTTTATTTGTACAAAG
CTATAATGTGTATGTCAATATCGATTTACGGCTGAGTGTGGTTTATATAGATACTAGGATGTATAATGTTCTAA
TTTATAGATTATTGCGTAGTTGGTCTGATTTTGCACGATGGAATCAAATGGTGTCAAGTGTAGGAAGACGGCA
ACTCTCATTTAGAACGCTTTTTTTTTTAATCTTTTTAGAAAAGAACAATACCAAACGATCAAACGTTGTTCTTTAC
ACCAAGTCCTCATATTGGCCTTCGTATGTAAAGTTTAGGGTACTTTAAATCCTCTAAGTCGGTCTACATCCTATT
TTGTTCTTGAATCTTGCATCTTATTCTATTTTTGTCCACTCCTGAAAGTTTTGTTGACTGATCTTCTGAAAAGCTT
GATATTTGCTACCAAAACATTTAGTGAAATACCTTCTTGGTGTCTTAGCTTATTGGAATAGGTGCATCTGGTTA
AGGGTCTTTGAAATGGTCTTGAAGGTTGTAAGAATAGGTTTAATAGGACCTTAAACCACTAAAAACAAACAGG
AAATTGACGCGTTTAATAGATAATATAATGATATTAAACATAAATTTTTCTTCTGTTTCGAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_3372 NM_001066661|Oryza sativa Japonica Group Os07g0585800 (Os07g0585800)
mRNA, complete cds

AGCCTTCATTTTCGATAAGTTTTAAAGAAAACAACAGCGTAAAATTAATCTTATTCTCCGTCGTTCCAAGTTCGA
TCGAGTTGGAAGTGTGTTTGTAAACGGGGGGACGAGGCTGACGGAAACTAGTTTTCGCGTCGAATTTCTTCA
TCGACCGATGACTAACTCCTTGCAAGCAATCTGGAGCCACGGACGTGCTCTTCGGAGCACAGTGGCTCCTCTT
TCCAGGTCAATTCTCCACCGATTCTTTGGTTCAAGTCAAGCCCGGCGAGATCGGTATGGTTTCTGGAATTCCAGA
GGAACATCTTACCAGAAGGGTTGTAATTTACTCTCCTGCTAGAACTGCATCCCAACAAGGATCAGGCAAGGTT
GGCAAGTGGAAAATCAATTTTGTGTCAACACAAAAGTGGGAGAACCCATTGATGGGGTGGACTTCTACTGGG
GATCCCTATGCCAATGTAGGGGATTCTGCACTGTCTTTGATAGTGAAGAAGCTGCAAAGGCATTTCGTGAGA
AACATGGATGGGAATATGTGGTTAAGAAGCGCCACACACCACTTTTGAAGGCGAAGGCGTACGCAGACAATT
TCAAATGGAAGGGCCCTCCTGCTGAAGCCAAGGAGGCTTAGACCTTGTTTGACACTCCTTTCCTATCTAATTGG
AGGCTAAACAGACTGGAGGGTTTGCCTAGTCAATTCGTTGCTTATTTTGAAGGAAGTTGGTTGTAATAAGTG
AGAACCGTGGTGTATACTCACTTGACCTTGTAACCTTTGTTCTCTCTTTACGTTTACCATCGAATGAAAAATCTC
AAGAAACAAACGAGC

>trans_s_3373 CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

ACATCACAAACCTTTTAAACCCTAAAACCTATAGAAGCTTTAACACAGTCCCACAATTGTTTGATTTTGTTTAAA
ACAATAATGGCTTCAATCAAGTCCCTTGCTCTTGTTGTTTGCCTTCTACTCTCTTTTTCTGTCTTTCTTCTGAAG
GTCGAGTGGCAAGAAAGGATCTCGGTATTGACCTTGGAGGACTCGGAGTTGGACTCGGAGCTGGAATTGGCT
TAGGCATTGGTGGAAAGTGGAAAGTGGCTCTGGCTCTGGCTCTGGCTCAGGATCAGGATCTGGGTCGAGTTCAT
CTTCATCATCACTCTTCGAGCTCAAGCTCGGGGTCTGGAGCTGGGTCTGAAGCTGGTCTTATGCTGGCTCA
TACGCAGGGTCTCGAGCCGGCTCAGGTTCAAGTGGAAATAGGAATGGAGGGTCGGGGTATGGTTCGGGATA
TGGTGGAGGTTCTGGGCAGAGGAGGCAGCAATGGTAATGGTGAAGGATATGGTGAAGGTCATGGCTACGGT
GAAGGTCATGGATATGGGGGAGGAACTGAAGAGAAAAAAGAAAATCATAAGAGGAAGTATAACAAAAGT
ATTAGGGTTACGCATAGTTGATTTAGATCATGATCCTAACTTTATGTATTTAAATTTAAATAAAAAGATAAGAGA
AGATGGAAGCTTTGTTTCGTAGTGTCTGTGTGTTTAGCAGTCGTGAAAATATTGCTGTAAATCATGTGTGTGT
GATGAATTTTCATGGTATTTCTGCTTTTAGGCAATTTCTGCGTATGTTACTGTTTACTATATATGAATGCAGAG
TTAGTAGAACTTATATTCT

>trans_s_3374 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

GAATAGGTTGAGTAATGTTTAAACAAGATTATGTATAATCATCACTACTGACATTGGTAAACGACCCAAAGAA
ATTTGATTATAATTCAATTCGTGACGATCATAAGTAGAAAAGTTCATATTCTTCAGTCATTGATAACAATTTGTT
GGACAATATTCAACACAGTTACCACAAAATATACAGATCCCGAAATCAATACTGTAATTAAGCAATCGTTTCTT
TCGAATATCCGTTTCCAATTTCCAATCAACAACGGGGAGATCTATAGGACATACACGAACACATACTTCACAAG
CAATGCATTTATCGAATTCAAAATGGATTTCGACCACGGAAACGCTCCGATGCTATTAATTTTCGTAAGGATAT
TGAATAGTTACAGGCAAACGATTTGCATGGGATAAAGTAATCATGAAACCCTGACCAATGTACCTTGCAGCTC
GTACTGTTTGTTGACCATAATTCATGAACCCAGTTACCATAGGGAACATATTATAATATCTCTAAAGAATTTTAT
GTTTGTTTCTTCTCTTGTTTGAGCAAGTCGTGAATATAGAATATGGTATTCCTTTACAATGAAAAGAGTTGAA
AAGATGTTGTTAATAATAGATTACCGAGAGATATAGGTAAAAGAAATTTCCATCCAAGATTTAATAGTTGATCT
ATTCTTAGTCGGGGTAAAGTCCATCTTCATGCTATAGAAATGAACAAGAACAAATAAGTTTTCGCTAATGTAAT
AAAGATACTAATTGTCATTCCAAAGACTTCATACACTTTGTCTGTCAATCCTTACTATGTCTGGACCTGGTAAGT
TTCCCCG

>trans_s_3375 AY060498|Arabidopsis thaliana AT5g48220/MIF21_11 mRNA, complete cds

AGGGAGGGAGATTTATGTTGCAACCTTCTTCTGGCTCCAAGTCCCAACAGCAAAAACCTCCACAACTTGTTCC
TTTTTCTTATAACTTTCAAATGATTTTGACCTTTTTTTGTTTTGTTTAAATTTTGGTGTTAATTCCTCAATTCT
CCAATATCTATAAAATCGATTGCTTCACGAAAGCAGGGCTTTCAAATGAGCTCAAGTTTTGGACGACAATGGA
GGGTCTCGCTTCCCTCACACAATTCCCAACGTTTCTTTCAACCCGTCTCCTCCTCCACTCGCAGGTCAAAGTT
TCTTCCAGACGGTTGAATCTCGGCCTTCAATGGACTCTTTTTGAGGAATTCAATCACTCTTGCCTCTTCTTCT
TCTTCTTCTTCTTCTCCCATGTCCACTCCCATCCGAGCTCAACAGATAGAGTCAGAGACTGGGTCAGCTGCGGC
TTCCCCAGTTACTGAATCAGAAGAAAATGCTTTGAAAGTGAAGGAATGGGAAGTGGGGATGTTCCAAGATGA
AGTGGCAGCAAGTCAAGGCATTAGGATTCTGTCGAGGCCGCCACTGGACCGCCATTGCATTATGTTGGACCC
TTTCAGTTCAGATTACAGAATGAAGGGAACACTCCTAGGAATATTTTGGAGGAGATCATATGGTACAAGGACA
AGGAAGTTTCACAGATGAAAGAAAGAAGGCCTCTCTTGCGTTGAAAAAGGATCTTGAGAGGGCCCCCTCTG
CTAGAGATTTCTTGGAGCTCTCAAAGCTGCCTACCTAGAACTAATTTGCCTGGTTTGATCGCTGAAGTGAAA
AAAGCTTC

>trans_s_3376 AF151216|Nicotiana glauca cell-type guard cell proline-rich protein (GPP1) mRNA, complete cds

>trans_s_3377 AB059484|Cucurbita maxima Pufg mRNA for glutathione S-transferase, complete cds

>trans_s_3378 NM_001053225|Oryza sativa Japonica Group Os02g0321900 (Os02g0321900)
mRNA, complete cds

>trans s 3379 XM 002882337|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S24, mRNA

ATCCGAAAATCAGGACTCTCTTGCCGCTTTTCTCTTCGCCGTCGCCTTCTTCGAGCTTCAAGTCTCCCATCTCTT
CAGCCATGGCGGACAAAGCAGTCACCATTCGGACCAGAAAGTTCATGACCAACAGGCTTCTCTCCAGGAAGC
AATTCATCATTGATGTTCTTCACCCTGGCAGACCCAACGTCTCAAAGGCTGAGCTGAAAGAGAAGCTGGCCAG
AATCTATGATGTGAAAGATCCAAATGCCATCTTTGTTTTCAAATTCAGAACACACTTCGGTGGTGAAAAATCCA
CTGGGTTTCGGTTTGATCTATGACTCTGTGCGAGAATGCAAAGAAGTACGAGCCAAAATACAGGCTAATCAGGA
ATGGACTCGACACCAAGGTAGAAAAATCAAGAAAGCAAATGAAGGAAAGGAAGAACAGGGCAAAGAAAATC
CGAGGTGTCAAGAAGACCAAGGCTTCAGATGCAGCTAAGGCAGGAAAGAAGAAATAAATTTGATGGAATTTT
GTGCTTATGGGCAATGATAAACTACCGAATTGTGTTTTTCTTTTAGTAGAGTCTCTTTAGCTATCTTCTACTC
TTCAATTAAATTATGTTAATCAGTGATTTGGTTGTTGGTGATTAGTGATATGAAAACTTTAGTTCTTTTGCCAGA
GGACAGAAATTTTGACGTTACATTTCTTCGTTTTCTTTTGATGTTTTGGTTGACACTTCGGCCCATTGAGACT
GATCGTTGGTAGATTATGATAATTGATAGATGGGGATAATTCCAAGGCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3380 NM_001065929|Oryza sativa Japonica Group Os07g0290800 (Os07g0290800)
mRNA, complete cds

AGTTTGTTGAAATCTCCCTCTCTCACCTCTCTCTCAGTCTCTCTCTCAACAAAATGAGTTCCACGGAAATGAC
CCAATATCTTCTTCTCAACTTGCCTCAAGCACTTAGCAGCTTTCAAAACCACTGCTCTACCCTTCTTCACAACC
TTTCCAACCCTCTTCCCCTTAAAACCCAACCTCAATCTACCTTCTCCACCCTTCTAAACCCTAAACCCAACCCTCC
ACTTCACTCCACAATTTACCCCTCTGATTCGTTCCCTAATAAAAAACCCCTTTGGGCTCGCCTTCTGAAACTGC
CAAAACCCAATTCTCCCGACCTTCTTCCCCTTCTCCTCTCTCCTTGTCACGGAAGCCATTGAAGAGCGCTTAGC
TGGTATTCTGTTTATGCTCTTAGCAATGCTTCTGAGGAATTCGCTTGGTTTCTGGTGCTTCCACTCAAAAATC
TCTCGGCTTCTTTTGCTTAAAGAAGGACGACGCAGAAACACTTCTTCAACATATTGGAACCATGGATCCTTCAG
CGCACTACGGCTCCAAAGTGGTGCTGTTGCTTTGAATAAAGTTTTTCAGCTTCATGTCAATGGGGTGGCCTTC
AGGTTAATTCCAGAATGCTCTCAGGTGAAAAATGCTCTCACTGAAAGAAAGAAGGCTGGCATTCTGCTGATG
AATTTTCTGGGGTTCCTGTTTTCCAGTCGAAGAGTTTGGTACTGAGGAGCCAGAACAGAGCTACCGTCTGC
CTTTTTTAGAAAGGAGGATTGGAGAATTCTCTACAATCAGCATGTCGTGAACAAAATCAAATTAATCCTGCCT
T

>trans_s_3381 NM_120980|Arabidopsis thaliana hydrolase (AT5G09430) mRNA, complete cds

CCCATTAAATCAAACCTCCGTTCTGAGAAGATTCTTTCATGTTCTTCAAATGACAAAGTGTATTCTTCAGTAT
CACAGAGACCAAAAATTGGTTCCATCGTTATAGCCTCACCAAATCCGACCTCCGATCCACCATTACAGATCTCA
AAGACGGCACCACAGTTCATTGTTGGGTTCCAAAAAACCAATTCGCACCAAACCAATCTCCTTTTAATCCA
TGGCATTGGAGCCAATGCACTTTGGCAATGGGGTGATTTCAATCCAGCCCTCATACCTATTTCAATCTCTACAT
CCCTGATTTGATCTTCTTCGGCGACTCGTTTACCACTCAGCCAGACCGGACCGAGTGGTTTCAAGCTCAGTGTC
TAATACGAGTCATGGAGGCTCACACGGTGGGTAAATTCAGTTTGGTGGGGCTTAGTTATGGAGGATTTGTTG
GGTACAGCATCGCGGCACTGCGGCCTGAAATGGTGGAGAGAGTAGTGATTTGTTGTTCTGGGGTTTGTGTGG
AAGAGAAAGATTTTAAAGATGGGTTGTTGAAAGTTTCTGATTTGGAGGAGGCTACAGCCATTTTGGTTCCCCA
AAAGCCAGAGAAGCTTAAACAGCTAGTGGGTATTCTGTTTTCCGGCCGCCGCGTTGCGTCTGCTGCCGTCT
TGTTTGCTCAATGATTTCAATGAATCAATGTGTTTAGATCATATCGAGGAAAAGAGAGAGTTGATTCGAACTAT
TCCCAGAGGAAGAAAGCTTTCAGACCTTCAAAGATTCAACAGCGGACGTTGATAATGTGGGGAGAACATGA
TCAAGTATTTCCA

>trans_s_3382 X58821|A.thaliana homeobox gene Athb-1 mRNA

ACCCGCTGATAACAACAACCTCCTCACCTTTTCATTTCAAGCAATCATTCTATACGTTCTGCCGGGGACTCTGTT
TTCCCCGTCGCCGGTGTCTGTCTCCGATCAACCAGGTTTTCGAGACTGACGAAGAGCTGGGTAATATCAGA
GCTGGTGGTGTGATGGGGTTTTGTATTTCTCCATTGGGAACACCGGCTAGGTTACTTTGGAGCACCAGTTTCTC
CCGTCACAAGCTTATGATTTTCTAATTTTCAGCCCTAGAAGCTGAAAATACCAAACCCCATCTCTTTCCTTTCTC
GTTTCTAATAAAGATCTACCTCGATTACGTCTCGGCTGTGGCCAATCCCCGCCCCCGTAAATCGCCGGTGATC
CCTTCTTAACGATTTCCGTTTCAGATTTTAAAGAATAATTAATGATGTCGGACGGTTTGATTTTCAACCGGTCTC
CAGGTCATGCCAACATGTTGTTTTTCGGAAGTAGTGATCCCATTCTCGTGGACCAAGTTTCATGATGGGGAT
GGAGGAACTTCAAAGAGGCGCTCATTTTTCAGCTCTCCGGATGACTTGTTTGACGATGATTACTACGATGAT
CAGCCACCTGAGAAGAAGCGCCGGCTGACTCAAGAGCAGGTGCATCTGCTGGAGATTAGCTTTGAGTCAGAA
AACAACTGGAGCCAGAGCGCAAGACTGAGCTAGCAAAGAAGCTGGGTCTGCAGCCAAGGCAAGTGGCTGT
GTGGTTTCAAAAACGCCGAGCTAGATGGAAGACAAAGCAGCTTGAAAGGGACTATGATCTTCTCAAATCTTCA
TATGATTCTTTTC

>trans_s_3383 AJ005077|Lycopersicon esculentum mRNA for protein kinase TCTR2

TCACGCCTAAAGCACAATGCATTTTTATCATCCAAATCAACTGGAGGGACGGTGAGAAGCTAAGAATGTTGAT
TTTTACTTAAATGTTTTCTTCAGATTTTACTGTAACTGCAGTACATAACTGGTCTCTCGTTTGCTTCTGTGTGT
TAGCCTGAGTGGATGGCACCAGAAGTCTTCGGAATGAGCCTTCAAATGAGAAGTGCATGTTTATAGCTTTG
GAATCATTCTATGGGAACTTGCTACATTGAGACTGCCTTGGAGTGGGATGAATCCTATGCAAGTTGTTGGCGC
TGTAGGTTTCCGTAATCTACGACTCGAAATACCCAAGGAAGTGGATCCCACGGTTGCTAGAATAATCAGGGAA
TGCTGGCAAACCTGATCCAAACCTGCGCCCCTCATTCTCACAATTAGCCAACATTCTGAAGCCACTGCAGCGGCT
CGTCCTGCCACCACATTTCGGACCAGCCAAGTTCGTCACTACTGCAAGAGATCTCTGTAAATTCTACACCTTAGA
TCGATATGGCTCATTTTTCTCAAGTGTGAATAAGGAACTTCTTTTTGCTTTTTCCCTTGAGTGGGGCTGTATTG
TATATTTTTGAAATGTAAAAACAAAGTATTTAAAGAAAAGAAAAAGAAAAAAGGTCGTAGAGGTACAT
AACATGGATAAAAATGTAAACGCTGTTGCTACAAAAGACGGTAGCTCCATATTTGTTTTGTACAGTCGCCTG
CTATTGGTTTGTGCTCAAGAAATGAGGCTTGTCTCTTTCACCCTCAATAATGAACATGAAACGAATGGAAC
TTTTGTTTTG

>trans_s_3384 NM_001069688|Oryza sativa Japonica Group Os09g0411700 (Os09g0411700)
mRNA, complete cds

AAGTCTAAAGCTAAAGCTTGTGTAGGTATTTTATAGCGAATAGATGGGGAAGGACTCGAAGCCAAAGGACGC
GGGTGGTAAAGGGAAGGGGAAGGCAAAACAAGGAGGTTCCGGAGCCGATGAAAGCGCTTCAAAGGAAAG
GGAAAATCCGGAAGAGCTGCTGCCGATGGCCTCGGAAGTGTACTTATGTTAAAGCAAGGCATATACTGTCCG
AGAAGCAGGGAGAAAATCAATGAAGCGTATAAGAAGTTGCAGGACGGTTGGCTTAGCAATGGAGACAAAGTT
CCACCAGCTGAGTTTGCTAAGTTAGCAGCTGAATACTCAGAGTGCCCTTCAGGGAAGAAAGGTGGGGACCTT
GGATGGTTTCCGCGTGGAAGATGGCTGGCCCTTTTCAAGAGGTTGCATTCGCCACACAAGTTGGAGCAACC
AGTGCACCATTCAAGTCAACGCATGGGTACCATATTATCTTGTGTGAAGGAAGAAAGAATTAGGAAATCTCGC
ATTCAAGGAAATCCTAAATTTGGGTATGCATTGACGATAATAATTTCCAGTACACAACCTTTTTTCTTTTAAAG
CTCTACCAAATACTCGTTCACTATATTGTGATTATTGTTCTTTTATAGGCCATGGAGTGAAGAATAGCAATACC
CATACATCTTCGTGTGTCTATAGTTGGGTTTGGTGATCTGTTTTACTAATATTTAGTAATAATGGAACCATGCCT
TGATATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3385 BT026479|Arabidopsis thaliana At5g22060 mRNA, complete cds

AAACAAAGATCTCAGAGAATGGATCAGTTTTGAAAAGTGTAGATGCCCCAAAGGGCAGCGCAAAACCAGTTA
CAACAACACCATCAGAGAAGAGAAGTGGTGTAGCAAACGGATACTAAGTGTGCGGGTGGTGGTTAGCTGTC
TTCTTCTTCTCCCCCTCCTCTGCTGCAGTTTAATGGAAGCTTCTTGGTACAAGGAGTTTTGTCAAAAGTTTT
GCTGCTTTGGATATATAAAAAAAGGAACAAGCTACTGGCTAGTTTCTCTCCATACTTATTTTGGCTACAATTAT
GGAATATGTCTTCTTGTCTTTGCTAGTCTCCAGAATGAATCCACAATACTACTGATGATGATGCTTTTTAGAT
TTTTTACAAAATCAATGGGTGGTGAGAGCTGAGTTAAATGATGACGATGATGAGATGATGATGATGCAGTC
AGGTCTCAGTTCATTAGACAACATCTTCTTTTTGAGTTCTATTATTTAAGTGGGTGGCAATTTTAACAGGGT
TTTGGTTTCTAGGATTGTAGCTTTTCTTTTCTTTTCTCTCTCTAGTGTTAGTGGCTTTTTTTTTCTCTCC
TCATATCTATTAAGATCAAGTTCTTTTTATCTCCCTCATCCCCTCTATTTTCTCATGGTTTTTGTCTGTTTATTTT
TCTTTTTTACTCTACTTGTTTGGCGATTTCCTTCTTGTAATCTCTAGATCTGATAAAGTTGTGTTTGGTCTGCT
GTTGCTGCTTCTGTATCAGTAAAGAGCTAGAAGGAAGCAAGTTGGGAAATAGTGCAATATAAAATCCTTTAAT

>trans_s_3386 XM_002889050|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal
domain-containing protein, mRNA

CTCCTCTTCGCTCTTCGCTCTTCGCTCTTCGCTCTTCTTTAGACAAATAAATCATTTTCTTAAACTTCC
AACATTTGAACCGAGTATTCCGACATTCTGTATAGCAGAAGGCGGAGGGGACCTATGTTGGGTGATCGAAAG
TCCCAGATGGTGAAGGAGACAGAATACTACGATGTGCTTGAGTCAAGCCCTGCGGCTACGGAAGCCGAAATC
AAGAAAGCTTATTACATCAAGGCACGGCAGGTTCCAGATAAAAACCCAAGTGATCCTCTGGCAGCACAAA
AATTTCAAGTTCTGGGAGAAGCTTACCAAGTATTAAGTGATCCAGCTCAAAGACAAGCCTATGATGCTCATGG
GAAGTCTGGAATCTCAACTGATGCCATTATTGATCCTGCAGCAATTTTGAATGCTTTTTGGAAGTGAACTTT
TTGAGGAATACATAGGTGAGCTTGCCATGGCATCGATGGCTTCTTTGGACATTTTCACTGAAGGGGAGCAATT
TGATGCTAAACGGTTGCAGGAGAAAATGAGGATTGTCCAAAAGGAAAGAGAAGAAAAGCTTTCAGAAATTTT
GAAAGTCTGCTGAATCAGTATGTTCAAGGAAACAAAGATGATTTTGTTAGTCATGCTGAAGCTGAAGTAGCA
AGACTCTCCAACGCAGCCTATGGAGTTGACATGTTAAACACAATTGGCTATATATATGCCAGACAGGCTGCTA
AAGAGCTTGGGAAGAAGGCAATTTATTTGGGCGTGCCATTTGTTGCTGAGTGGTTTAGAAACAAAGGGCACT
TCATAAAATCCCAGGTC

>trans_s_3387 AY445630|Trifolium pratense GTP-binding protein TypA mRNA, complete cds

TTTGAGATATAAGATTCCAAGTGGGGTCTTCTTGGATTGAGGAATGCAATTTTAACAGCTTCACGCGGTACTG
CAATTCTCAGCACAATATTTGATTGCTACGGACCCTGGGCTGGTGACATTCACACTCGTGATCAGGGTTCACCG
GTTGCTTTTCGAGGAAGGCACGACAACCTTCTTATGCCCTTGCTAGTTCACAGGAGAGAGGGCAAATGTTTGTCA
GTCCTGGCGTAGATGTTTACAAGGTCAAATTGTTGGAATTCATCAACGCCCTGGGGACTTAGCCCTTAACGT
GTGCAAGAAAAAAGCTGCAACAAATGTACGCTCCAACAAAGAACAACAGTGGTTTTGGATACCCATTGGA
TTATAGTTTAGATGACTGCATCGAGTACATCCAAGAAGATGAACTGGTTGAAGTCACTCCCTCGAGCATCCGA
ATGTGCAAAAATGCAAAAATGGCAAAGAAAACAAGGTAGTTATCCAATACTGCAAACTTCAACGTGCAAAA
AAACATGGTACGTACCAACCAAAGCCATATTTCTTGAATTTGTAAGCTTTAGTAGAGCTTCTTAGTCAATACT
AAATTGTTTAAGCATTATCAAAGCTTCCACCTACAATAGTTCGTAGTATTTGTACATAAGAGAGGAGAAGAC
ACCAAAGTAGTATACCATCCAAATCCAAAGTGATGATTGATTGGTAGAACTAGAAAGTGAACCAACCTTCT
TTTTCCCTTCTAAATGAATATAATTTAAATTTGTTTTATTATTATTATTGTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3388 NM_001186050|Oryza sativa Japonica Group Os02g0507600 (Os02g0507600)
mRNA, complete cds

ATCTGAACGAACAAAATCAAAAACCCCTTCTCTCTCTCTCGCTCTCTTGTTCATCTCTAAAATCCCACCATT
ATCAAGAACCTTACAACGTAAAAAAGCACAGATACGAATACCCATTTGCGTTTTTTGTCCAAGAACCACAAAA
GTGTCCAATATGAAAATAAAGAACAAAGGAAAAGTTCATCCATCTCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCG
ATGGGAACTTTTTGTATGCTTGAACATCTTCCGGTAGCGATTTTTGCTCTCGTCTCTGTTCTCACTGTGCGATG
ACCGGGAGGTTTTAGCCTTCATGATGAGGAGATCCATGGAAACCTCATCACCATCTTCTCCGTTTCCGGAAAAG
AAATTTTCCAAGAGAGTTTCCAAGAAATCCGATACTCCACGCGCCGGCTCTCGTAGCGCGTGTGTTACGCGC
CGCCTTCTCTTACTTGCTTTGATTGTTACATGAGTTACTGGGACCGATGGAACTCGTCTCCAAATGGGGAGCTG
ATTCATCAAGCCATTGAGGCATTTGAGGAGCAATTAACCAAGGGGGAGAAATCCAGCAAGAACGTTAAAGGG
AAGAGGAAGGACAAAATCGGCCGCCGGTCTCTGGATAAGTCTTTGAATATTGTTTCCCCACCGCTTTTGCCGG
TGCCCGAAACTCATCTCTGCAGATTGATGAAGTTCTTCTGCCGCTCCGGCAACATCAGGAAGTGCCGCTGT
GGAAGTAGAGGAGAAGAGCGGAGAGGCGCCGCGGAGTGAAGAGGAGGCGGTGGAGTCAAGGGGAACTTT
GGTGGTTATCCC

>trans_s_3389 NM_112285|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase family
protein (AT3G14270) mRNA, complete cds

AAACACGAACTGGTTATCGGAATCATCGATTTTCATGAGACAATACATGGGACAAGCACCTCGAGACTTGGGTA
AAGGCTACAGGCATTCTTGGTGGGGCAAAGAACTCATCTCCCACCGTGATCTCCCCAAGGAATACAAGAAG
AGGTTCAAGGAAAGCAATGACAACCTACTTCTGATGGTCCCAGACCAATGGTTTCCGCAGTCTATCGTTCCGA
GCCAGTCTCAATCTGATTTTGGTGAGGAGAACATGCCTGATGGAAAATCTGATGCCGTATCTGTGTCGTAATA
CGTTGTAGATAGATGTGAGTGAATCTCAGAGTCCAACCTCTTACATTTTGTATTATCTTGAGTAAATTGATT
TTTTAGGTAGATTCTTTTCCCCCTTTTTCTTTGCTCTATCATTGTTGAAGAGGAAGAGGAGGTGATGAGAATT
CATTAGGAGGTGTGAAAGAAGGCTGCTAAAGCCATTAAGAAAGGAGGTACAATATTAGTTAACCTCTTGATT
AAGATATTTGTATAAAATAGGTAGTGTTGTAGTTAGATTTACAATGTAAAGCTTCTGTTCCCCACATCAGTGTC
TATTGCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAGAAAAAAAAACATTACCTCCATATGTTGTACTTTACAAGATAAGTTAC
TTCAGTTCCAACATCAATGAACTAAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAACACAA
AACCAAAAAAAAAATAAAAAAAAAACCAACCTCAAAAGGGGGGCCCGGAACCCAATTCAAAAAAAAAAAG
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3390 NM_105701|Arabidopsis thaliana ENT1,AT (EQUILIBRATIVE NUCLEOTIDE
TRANSPORTER 1); nucleoside transmembrane transporter/ nucleoside transmembrane transporter,
> (ENT1,AT) mRNA, complete cds

TCTGCCTCCATATTCTACCAAATCCCCTATGGGCAGCTCCGGCGAGAATATCGAACTCCCCTTCTTCTCCTCT
TCATCTCCCCGATAATAAAATTCCCAAAGATTCTTCAACTTGATCTACATAACTTACTTCATTTTAGGCGTCAG
TTGCCTTCTCCGTGGAACACTTTCATTACAGCCATCGATTACTTTCTCACATATACCCTCATACCCACATCAAT
CGAATCTTCTCCGTGCTTTACATGCCCCGTGTCGTTTCCGCCCTTCTTCCGTGCTTTTCTTTGGCCGGCGCTGT
GATGTTTCAATCCGAATTAACCTTGCTTGGGTCTCTATGTGTTTTCTGCTTTTGATGCCTCTTTTAGAAGTG
TTTTACATTAGGGGTCGTGTCGGGTTGTTCAACGGATTCTATGTATCCATTGGAGCCGTCGTGTTGTGCGCTGT
GGGACAGGCTCTTGTTCAAAGCGGCGTCGTTGGATCCGCCGGGAATTGCCGAAGAGATATATGCAAGCTGC
CGTCTCTGGCTTCGCTGGCTCTGGTGTGTTGGTGTCAATGCTGAGGTTAGTAACAAAAGCACTGTACCCACGA
GACTCCGAAGGCTTAAGGAGAAGCGCAATTCTCTACTTTAGTGCCGGAATTACGTTTCGTAGTTGTCTCCTTTGT
ATGGTACAATTCTACCACCAACATCTAATTGTGAAGCATTACAAAACCTAAAGAATCAAGAGAAACAAAAG
AAAGGATCTTTATTTGGATCAATAACCAAGTCAACATTCTGGGAAATATATAAAACAATCAGAATCTATGCGTT
TGGA

>trans_s_3391 AY128301|Arabidopsis thaliana At2g47250/T8I13.9 mRNA, complete cds

ATTGTGCAGCACAGATTTCAACAGCCGTGACTACTACGCAAACATAAGAAAGGCCATGCTATCTGGGTATTTCT
ATGCAAGTAGCTCATTTGGAACGGACTGGACACTACTTGACAGTGAAGGACAACCAGGTGGTACACTTGCAT
CCGTCGAATTGCTTGGATCATAAGCCAGAGTGGGTCAATTACAATGAATACGTCCTAACAAGTAGGAATTTCA
TCCGTACAGTGACAGATATCCGGGGTGAATGGTGGTGGACATAGCATCACACTATTATGATCTGGAGAACTT
CCCCAATGTGAGGCCAAGCGTGTCTTGAAAGGCTGTACAAGAAGCGGGAAAAGGATCGTGAAGAAAGCA
GGAATAGAAAATGAGGTTTTTCCCAGCCGTTCTGCCCTTGGAGGTTTCAACTTAGCATCAATTTTCTCCGAG
GCGTGATGAAAGTGGGAGGCATCCAGAACCTTAATCGTTCCTTCATTCTTCATTCCAAGGTCGTCCATGGCAG
ATAACTTTTAGCTGAGGAGCGGAAGAAATTGGTGTATTCTATACTGTTGAATTAGGCCAGTGTCTTAGGG
TTCATATAGTCTCAAAACATTACACACTCGCTAGATTTTGATTTTTCAATGCTATGGTGTGTGTGCTATTATGTT
ATTTTAGTGTATGAAATCTGAAAAGCCAATGTGACCATAGCTAACATTTCAACTCTCCGAACAACTTTTCATA
AATGTGTAATTGTTATGTTTCGTAGAAACAGTATATATCCAGATTTACCAACTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_3392 NM_101723|Arabidopsis thaliana PDCB3 (PLASMODESMATA CALLOSE-BINDING
PROTEIN 3); callose binding / polysaccharide binding (PDCB3) mRNA, complete cds

TGGTATGCCATTCTCAAATCTGTTCCCTATTTAGTCCCTTTTCTCTCTTCGTCATATTAAGTTCTCCACCTTTTCT
TACTAACCTTCTTGTTCCGGCTTCAATTTTCTTTGGCTATGACTTTTCTGCATCTCTCATTGCTGCTTCCGGCCG
CCATGGCTGGCCATTCAAGTGCGACATGGTGTGTCTGCAAGAACGGGGTGAGCGATGCGACGCTGCAGAAG
GCGCTGGACTACGCGTGCGGGGCGGGGGCTGACTGCAGCCCCATTGACAAAATGCAGCCTGTTTCCTTCCA
AATACAGTAAGGGCTCACTGTTCTTATGCTGTCAATAGCTATTTCCAAAAGAAAGGCCAAACTCAAGGCTCTTG
TGATTTTGCTGGTGTGCTACTATCTCCACTACTGACCCTAGTGCTGCTGGCTGTTCTACCCTTCAAGCGCCGG
GGGCAATGGTGGCGGAGTAACTCCAGTGACGACAACTCCAACACCACCTGGAGCGACAACAGTCCCCGGAAT
GACCTCACCTGTACGAGACCACCACCATCGTCAATGACACCCGCAGCTACAAACAATCCCCTTCCCAACTG
CATCTCCCACCGGAGTTTTGGGCGGCGCTGGCACGGGTGGTGTCAACCCCACTGGAACCGGCACCACCACCG
ACGAGAGCCATGGTGAATCCGCCTCCAACGTCGTATATTCTTCTCCATCTCAATCGTCGTTTTATTAGCTTCG
TGCTAATCTGTTGGGACTGAGTTGATTATAATAATTAAAGTACTTAATTAGCTAGCTTTGAAACAAGAAGTATA
AGATTTAT

>trans_s_3393 NM_101705|Arabidopsis thaliana calcineurin-like phosphoesterase family protein
(AT1G18480) mRNA, complete cds

AGAAAGCCAATCCCGATGGAGTATTTTGAAGATCCGATTTGTAGAGACGTTCCGACTTTTGTTTCCTCTTTTGT
TGACTCCTTCGTCGACTTCTCCGTCAGCGGGGGTCTCTTCTTACCGCCGGCGAGTCCTCCTCCAGCTTCACAGA
ATGCGCCGGCGAACCATCGTCTCGCAGCTGCATACCTGATTACCTTCTCCGGAGCGCCTAATTGCTGTTGGA
GACCTTCATGGCGATCTTTCAAAGTCCAAGGAAGCGCTGAGACTTGCTGGATTGATTGATGGCTCTGGAAGAT
GGATTGGTGGGTCCGCCACCGTGGTCCAGATCGGTGATGTGCTTGACCGCGGCGGCGATGAGCTTAAGATTT
TGTATTTTCTCGAGAAGCTTAAGCGAGAAGCAGCCAAGGATGGTGAATGATCATCACCATGAATGGAACC
ATGAAATCATGAACGTTGAAGGTGATTTTAGGTACGTGACCAAGGAAGGGTTGGAAGAATTTAGGGCTTGGG
GAGACTGGTTCTCCGTTGGGAACAAAATGAAGGCTCTTTCGTTGGGTTAGAAACACCTAAAGATCCATTCCA
AGGACTGCCTACGGCTTTCCGTGGTGTTAAGAAAGAGTTTCATCCTGGATTTTCGTGCTAGAATCGCCGCTCTCC
ATCCAACGGGTCCGATTTCAAGCCGTTTCCTGTGCGAGAACACGACCGTACTCGTCGTCGGAGAATCGGTGC
TCGTTACGGTGGCCTTTTGCCGGGACACGTGTCATATGGGTTGCAACGGATTAATGAAGAGGTGAGAGATT
GGATTAAAGGATTGTCA

>trans_s_3394 XM_002868931|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L12 family
protein, mRNA

AATGAATTCAGACAACCGTAGAACCTCGGAGTCGGCGCTTCAATGAAACACGATTCTCTGTGACTTACCAATA
TCGTCGTCGGTCTCCGCCAGAAACCCTAATATCTCGAAATGCCATCAATTGCCTCCAACTTCCGGCCAAATCT
TTAGTGAGACTTCTCACTATCGCTCCAAGACCATTGCTAGTTCGGTCCCTCAGCACCGTCGCCGAGGAACGAAC
CCAGAACTCGAGAGGATCGCCGATGAGCTCCTCGACCTCAATAAAATCGAACGACACGACTATGCCATCCTC
TTCGGGTATAAAATGGGTTTAAACAAATACGGGCCTGCAGTTTCTGGGCTAAGTGCACCAGGCTCAGCCGCCG
CCGGATCTGCCGCCGCCGAAACAAAAGAAGCTGAGAAAAGTGTGATATAAAGCTCGAGAAATTTGATGC
GGCAGCGAAGATCAAGATCATAAAGGAGGTAAGAAGCTTCACTGATTGTTGGTCTGAAAGAGGCTAAGGATTT
GGTGGAGAAGGTGCCCGTGGTGCTCAAGAAGGGAGTAACAAAAGATCAAGGGAACCCAATTATTGAGAAGC
TTAAAGAGTTGGGAGCTACAGCGGTATTGGAACGACATTTTTTTTCTTCTGTCAATTCATACGTTCTTTTTGG
AGTAAAATAATGCTGCCCTTGTAGAGGACTATCGAAATTTTTTCGAAGTGCCAAGATTTATGAAGGTTACAAT
TCAAAGTCATATGTTGCTTGGGTCGATATTCAAAGTACATTTGGTTTTTCCCCTTTGGCATTCTCCCGCGGAT
TTGCATGAGAATC

>trans_s_3395 AB029548|Phaseolus vulgaris pvsbe2 mRNA for starch branching enzyme, complete cds

CATCTTGAAGAATCTTTTGGTTTTATGACAGCTGGACACCAATATGTTTCCCGAAAGACGACAGAGATAAAATC
ATTGTGTACGAGAGGGGGGATTGTTTTGTTTTCAACTTCCATTGGAGTAACAGCTATTATGACTACCGAGT
TGGGTGCCTAAAGCCTGGAAAATACAAGATTGTCTTGGACTCAGACGATCCATTGTTGGGGGGGTACAATCG
GCTTGATCATTCTGCCGAATACTTCACATTTGAGGGTAACTATGATAACAGGCCTCGCTCTTTCCTCATATACGC
TCCTTCCAGGACGGCCGTGGTCTATGCTCTTGACACGATGATTCTGAGCTTGCAAAGGGTGAACCCGAAACC
GATACCGAGCCTGAAATGGAAACGGAACTGAAACTTCATTGGAGTAGAGGTTTATATGCAATAAAGATGGT
TCGACAATTCTAGTGACACGCAACCGATTCCGAATCTTCTTGGGGTGTGGGAGACAATTCTGGTAGGTAAATT
GGATACACAGCTAACAAGGTAATAACCTTTCTATTCGATGCAACTTGAACCTCATGTCATATGCATAAAGTAAA
AGAGGAGAACAGAGGATGAGTAGTAGATGTTTTCGCTCTTTTTATTTAATCTTTTAGCATTATATTTATTGGTTT
TATATTCCAGAGCTGGAACTTCTCTATGTATAGTAGAGAGCGTGAAATAAAACTCTCTTCCAAGTCATGGTT
AATCTATAAGGAAATACACTATGCACTTCAAGAACTAATCTTGAGGTATTTTCATGAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_3396 NM_102753|Arabidopsis thaliana JAZ8 (JASMONATE-ZIM-DOMAIN PROTEIN 8)
(JAZ8) mRNA, complete cds

CTTTGTCTCTCTCCTCCTTCTCCTCTCCTTCCACCACCACCACTACCGCTGCCGCCGCCTCCAATTCACCTTCACA
ACACAACCATATCACTCCCATCGGTGTCCCCACGCCTGATCTTACCGAGATCCAGGTACCATCTCTCTTTCCTTT
TCTTTTCTCTCAACCCACAGCGTTATGTAAATTAATCATTACCATATCAATCATTCACTTCAATTCGTGGCTT
AACATGCATGGTGTGAAAGTAGGAGCTCTTGTTTCAAACCGTGTGATGTCATAATCATAATTTGCCACAAG
ATAACATTATTGCACTAACTAATTAATGCTTAAGGCTATGGAATTAATGGTCACACATATATGTATTTATATTG
TTTGGATTAATGTAGGCAAAGGCAATAATAGTAGAAGCCACGAGACAAATGGAGGCCGAGAGAAGATGGAC
GACATGTCGGATTAGTTCATCAGCAGAGAGAGTATGGATGAGGAGCGGGGAAGCTAGCCCCTCCATGAGGA
GATCATTGCAGAGGTTTTTACAAAAGAGAAAGCTTCGCATTCAAACACTTTACCCCTACACTCACTAACTTTCC
AAATCTTGAATAATCGTGGCTTCTTCATAATTCTCTTCCCTTTTGTCAATTTTCTTCTTTAGCTTTTAGGAGCT
ATAAGTTTGTGTTTGGATTGTATTTGTACATACTTGGAGCTTATTAATTTTCCAATACATTACCTACTTACATTC
TCAATTAGGATGCAGTGATGTTCTTAATAACTAAAATAGTCTGATGCTCGTAGATTAAATAAACTCCATCTC
T

>trans_s_3397 Novel Gene

TGATTGCACATGCACTGGGACAGCGAGTTAATTCATTTCCAGAGGATACTAATTGCCATCGCAAAGTGCAAGG
AGGTGTAGCAAACAATGCATACATTCAAGCAAGAGATTCAAAGTTGCCTAATTCTACTGTGGAATCCATTAAC
AAAACCATTTACAGTCGGATCAATGTATGAACTTGAAGAATGAGTCGGATAAGACTTGTAATCCAAACGTGT
CATTGGCAAGGGGAAGTACTGCTGCCAAAAAACCTGACAAGAGTTCTCCGAAGGCAAGTCATGATGTGCAC
AATGAGCACTTAAAGAGAGAACATTTAGGAGCTGCAAAGAGGATGTTTTCTCAGGCTTTAGGCAAGCACTGC
CGAAAGAATGAATCTCTTCAAACCTCGTTGTGGGGAAGCAGATTAAAATGGAAACAAAGATTCAAATACATCTG
CAGTAGCTATTGTTTTCTGGCATGATCTCGTCCTACTCACAACCTTTGAGTTGTCAGGATCCCTGGTGCTGCTAAC
ATAAAGATGAATGGGACTATGTGATGACAAATTTGTCTATGTCGCGTGGCCAATGGTCGTCGACTGTGTCAAT
GGCGTGATGATCAGGGTTGGATGCAACGCCTATGGCTGCTATCATGTTGCCAATTCAGTTGGCAAATATGAAA
TCTGACCTTGTGTTCTCTAGCTTATATACTGGGAATTCAATCTGGGCGTCTAAGCAGCACTGTATGAAGAGTTT
GAACTATATGTTCGGAACCGAGTTGTGAGGAAAGGTTGTGGAAATCCTGGGATCTATGTTCACTGATTGAGAC
ACATAAGTGGGTTGTG

>trans_s_3398 X95965|A.thaliana CER1-like gene (1992bp)

CCTTCAATGGCAAAAACAAGCAATAAACAGCTTGATTGAAGATGCTATAGTAGAGGCAGATCAAAGGGTTG
CAAAGTCTTGAGTTTAGGTCTCTTGAATCAGGGAGAGGAGCTGAACATATATGGAGGGCTTTATGTGCAAAG
GAACCTAAGCTAAGAGTTAGGGTGGTGGATGGGAGTAGTCTGGCTGTGGCTGTTGTTCTCAATAGTATCCCC
AAATCTGCCACCCAAGTTCTCTTGAGAGGCAAACCTACAAAAGTGGCTTATGCCCTTTCTTATTCTCTGCCAA
AGAGGCATTGAGGTAGCTGTGTTACATGAGGAAGAATACAGGAACTCAACAAATCATTCAACACTAAATTTG
AGAGCAGTCCAGTGCTTTCAAAGGCTATTCTCAAACATATGGTTAGTAGGAGATGGACTGACAAACGAAG
AACAGATGAAGGCACCAAAAGGAACGACTTTTCATCCCTTCTCGCAGTTACCTCCAAGGATTGTACGCAAAGA
TTGCTTCTACCACTGCACCCCTGCTATGAAGGCTCCTCGTTCTATTGAAAATGTGCATTCTTGCGAGAACTGGTT
GCCAAGAAGAGTGATGAGTGATGGCGTATTGCGGGCGTAGTGACGCAATGGAAGGGTGGACAGAGCAC
GAGTGTGGCTACACGATGTGCAACATCGATCAAGTCTGGAAAGCAACTCTTCGACACGGTTTTTCAGCCTGTTC
CCTCTCCACTCCCTGTGGCTCTATGTAATGATCATCTAATTAATCACCTTAATGTTATGCTTTTTACGCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3399 XM_001696972|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TCCATCAGCATGGCCCACTGCACATACAAGGCATCCTCCGCCTCGTCTACCTGTACCAGGCACTGGAGTATTCC
TTCCCCCTCCAGGCTCTTCTAGTGCTCCAACACCATCTCCTCAACAGCAGTTGCCAACTCCAATATTGAGATGG
GTTCCCTTTCAGAAAAGGAGAATAGGTTGACGAAATCTGATCACAATTCAGGTACTTTTCCAGGAGAAAAACC
AGAAGCGAAGACTCAAAGACAAGAATGCAATGGGACTATAGATGGAAGTGGGAATGATAAAGTGAAAGAG
GAAGAGCAGCAGCAGCAACAGGAGGAGGAACAAAGTGCCCAAAATGCAGTTTAGACAAGATATTACTTATG
AAGAGAAGAGAAGAGAAGAGAGAGAGAGTGAAGAGAGATAGAGCAGGTAGGCTGCAGAGTTGAATGAGTTA
TGAAGCAAAATGTAGAGAGCGGCAACATTCAAGATTGATGATTTGCACACTAAAGACATTACTACTACTACCA
AAGGAGAACAAGGGGAGTTCTCTTTCAAAGTCCTTTTAGTTCATTCTTTTTTTTGGATGTCCTGAAAAATTATTG
GTTAGATGGGAAGACTGATTCTAATGGAACTTTGGATCCTATCATCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAA
AAAAAAGAAAAAGAAAAAAGTGATTTTTGAGATGTTAGAACCAGTTGGGGATTTCTTTTGGGTTTAAATAG
TTGAAAAAAAACAAGACTATATATATATATATGCTAACCCCTTGAGTTATTAGGGACCGCGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3400 X66874|P.vulgaris mRNA for 70 kD heat shock protein

ACCAAAAACCTTAAACCTTCACAGCGCCCAATCTATTTCTCTCTTTCTCTCTCTCTACCAATTGCCTTC
CGACATGGCCACCGGCGTCTCTCCGTTCTCTTCGACGTCGCGATTAGCCTCCTCCTCCCTTTCTGCTTACCG

ATCCTTGACAAGTAATGCCAAGCCGTCGTGGGGAAACTCTCACCTTAGCCATTCATGGGCGAGTTTGTCCAGG
CCGTTTCAGTTCAAAACCTGCTGGGAATGATGTAATTGGTGTGACTTGGGTACCACCAATTCTTGC GTTGCTGT
CATGGAAGGGAAGAATCCAAAAGTTATTGAAAACCTCAGAAGGAGCTAGGACCACACCATCGGTGGTTGCTTT
CAATCAGAAAGGTGAACTGCTTGTAGGAACGCCGGCAAAGAGACAGGCAGTGACTAATCCAACAAATACTGT
GTTTGAACCAAGCGTCTGATTGGTAGACGCTTTGATGACCCTCAGACGCAGAAGGAAATGAAGATGGTGCC
ATACAAGATAGTCAAAGCTCCAAATGGAGATGCTTGGGTGAAGCCAATGGACAGCAGTACTCGCCAAGCCA
GATTGGTGCTTTTGTATTAACAAAGATGAAGGAAACTGCTGAGGCGTACCTTGGAAAGAGTGTGTCCAAGGC
CGTGATTACTGTTCCAGCTTACTTTAACGATGCACAGAGACAAGCAACAAAGGATGCTGGCAGGATTGCTGGT
TTGGAAGTTCTTAGAATTATCAACGAGCCCACTGCTGCTGCACTTTCTTATGGAAATGACAACAAGGAGGGCC
TTATTGCTGTCTTTG

>trans_s_3401 AY247269|Medicago truncatula AKIN gamma mRNA, complete cds

CAAAGACGGTGTCTGAGCTCGGTCTTCCAATGATGTCACCAGCTTCTATTGTCAAGGTCCATTTTCCAGATATC
CATTCTTCATCACATTTAGCAATTTAGAGATATGATTACTTGCAATCATATTATCTGCTATTCATCATTTATCCTT
TTCTTCAATGTCGTGTTGCTTTGTTGCAGGTGTACGAGGACGAACCCGTTTTACAAGCGTTCAAACCTTATGAGG
AAGAAGAGGGTTGGAGGTATACCTGTTATTGAAAAGGGTGGTAGGGCAGTAGGCAACATTAGTTTAAGAGA
TATTCATTTCTTGCTCACTGCACCAGAAATCTACCATGATTACAGGTTTGTCAATATTTTGATACGTATTACC
CTTTGTTGATTTGTAGGTGAAGTTTTCCATTTTCGGTTAAAAATAGACGAAACAGTAATAACTTAGTTACTCTG
GGCTCTCGTCTTACTTCTGACAGATCGATAACAGCGAGGAACCTTCTAACTGCGGTTAGAGACTACTTAGAGA
AGCACGAAGAGTCCTCTCCAATGCTAAGCAACATGATTACGTGCAAGAAGGACAAGACAATAAAGGATCTGA
TTTTGATGCTTGACTCCAAGAAGATCCATCGTGTGTATGTCGTCGACAATGATGGCAATCTGGAAGGAGCTAT
CACCTCAGAGACATCATCTCGAGGTTAGTCCACGAACCGCGGGGTTACTTCGGCGATTTCTTCGATGGTGTT
CTGCCATTGCCTCAAATAGTCGGGTTTGAATGAAATACTTGCCAGCAACAACAAGTCCTGATATTGTT
GTCAAATAC

>trans_s_3402 AL161494|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 6

AATCCAAATCAGAAAGCGAAACAGTTTCAGAACTCGAAGAGGAAGAAACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAT
CATCGAAGAAGATGAGTTTCTCTAACTTTTGGCTTCTCTTCTCCTTGCTTCAATCTCATTATCAACCTCCCT
CATCTCCGATCCAAAACTCTTACCGCTACGATATTCTCCAACAGTACGGTTTCCCCGTCGGCATTCTTCCTAT
CGGTGCAACCGGCTATGAATTGAACAGAGCCACCGGTGAATTCAGCCTCTACCTGAATCAGAGATGCAAATTC
AAGATCGATTCTTATGAACTGGAGTACAAATCTACCGTACAAGGCGTGATTTCCCAAGGCAGAATCAGGAAAC
TCAAAGGTGTTTCTGTTAAGATCGTCCTTGTGGCTCAGCATCGTGGAAGTCGTTAACGATGGTGACGACCTT
CAATTTTCTGTTGGGATAGCTTCTGCCAATTTCCCGCTTGACAGTTTCTACGAGTCGCCGCGGTGTGGATGTGG
ATTTGATTGCGATAATGGCGCTGGGAGCTTGGTTTCGGCTTCTTGAAATTAGGTGAAACTTGTGTTTAATATAA
TAGATTAGGGAATATTAGGTTTTGAATCGCTTTGATTACTTTAACTAGTAATGTCATGTTGCTTTGAACTTACT
TTATATGCGATTTCCGAGATCGGATTAGCTCAACCATTATATTCTGTTTATGTTCAAATAGAATTGTATCGTTCT
GTCATTGAATCTGCTTCTGATCGTCGATCATATAATTATGATATGAACAATTCTGCCAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_3403 AF284759|Pisum sativum TatC (tatC) mRNA, complete cds; nuclear gene for
chloroplast product

GACTAAGGTCCAATAAAATAGATGACTCAGATTTTACAAAGTCCTGATTTTTCGGCATAACGCGAAAAGCCGC
CATCGATTTTGGATTGAGAAGGTTGAAGAAGAGATGGGAAGCATTAGCGGTTCTCTATCATCGCATTTGCAGC
TCAGTCATAGCCGTTTCTCTGCTAGAACCTCTCAGTCTCAGCTTACTTCAGTTCGAATTAGCCCAACGTTGAGAA

GGACAAAGTTGCGACTACCGGTTTTCTGAGCCGTAGAAATTTCAACAGATTCGTGTGTTCTGCTGTTCGATGA
CGATGTAAGAGAGAAGCAGACGGAGTTGGGTGGTGGAAATGGCTCCACCGTCGTTGAGGATGTGCCAGATA
TTGCCAAGAATTCAACAAACGGCGCTCCGGATAAAAGTGATATTTATAACTTACTCTATCCCAGTAAAGATCTA
CTTCAGATGATAAAGAAATGAGCGTGTTTGATCATCTTGAAGAACTACGTCAGAGGATATTTGTTTCAGTTTT
GGCTGTTGGAGCTGCAATTATTGGATGCTTCGCATTTTCGAAAGATCTCATCTTACTTCTTGAAGCTCCAGTTA
AGGAACAAGGTGTAAGGTTCTGCAGCTTGGTCCTGGGGAGTTTTTCTTTACAACATTAAAGGTATCAGGATA
CTGTGGCCTTCTCCTTGGAAGTCCTGTCATCTCTATGAGATTATTGCATTTGTTCTTCCAGGATTGACAAGAAC
AGAACGACAATTTCTGGCACCTATCGTCCTAGGCTCTTCTATGCAGGAATTGCCTTCTCCTACATAGTTGAC
GCCAGCAGCC

>trans_s_3404 AJ277744|Fagus sylvatica mRNA for ABA and calcium induced protein phosphatase
2C (PP2C), (pp2C2 gene)

AAAGCTGAGTTCAATAGAGAACCATTGTATGCAAAGTTTCGAGTTCAGGAACCTTTCAGAACGCCATTTTTGA
GCTCTGAACCAGCCATTTCTGAGATCCAGTTGAAACCAGATGATCAATTGGTTATATTTGCAACAGATGGTTTG
TGGGAGCACCTTAGCAATCAGGAAGCGGTTGATATAGTTCATAGCCACAATCAAAGTGGAAGTGCAAGAAGA
CTGGTCAGAGCTGCACCTCAAGTAGCTGCAAAGAAAAGAGAAATGAGGTACTCAGATTTGAAGAAGATCGGC
CGTGGCGTTCGTCGCCATTTCCATGATGACATCACTGTGGTGGTTGATTTCTTGATACAAATCTGCTCTTCAAA
GCTAGCTCCACGAAGAGCATGAGTGTCTCACTTCGAGGCGGTGGACTCAACCGGCTTCCTAACTCTTTATCCCC
CCTCACTACGCCCCGTGTAGAACCCAGAAACCCCTGATTGAAGGCATTGGTATGGATCATTTGCTGTATTCTCTC
CCTCCTATGTGAATAGTAAGTAGTTTCCAGTAGAAAGAAAGAGTTGTAGGCCCATCCAACCTATTGTTCTAGAT
TAAAAGAAGAGTGAACTTAAAAGAAAGGTGGTAGAATCAGATATCTATTAGTGGGTAAATCTTTGTAATGC
GAAACTCGATGTAACCTCTGCCTGTTCCACCTCCTTTTGGTATAATTTCAAGTCTGTAAGTTCTACACTCAATGTC
TTAAACTTGTGCCCTTTTCCACTTAGAAAATGCAACCAACTTTTGTAAACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_3405 XM_002302515|Populus trichocarpa histone deacetylase complex protein (HCP902),
mRNA

AGAAGTTGAACTTGAAGAATACTTCGAGAGAAATGGCGGGAGAAGCTGAAGCACCAAGGAGGGCTTATGG
CGCTCCTCCAAGAGCAACTCATGCTCCTCCTCGTCTCGTTTGGAGCCTGTTGATCGAGAAAAGACTTGTCTT
TGCTGCTTCGCGTTTTACGAAGATTGGGAGTCATATTTCAATGAAGACTTCGCTGTGAGGGGCAAGGAGCC
GAGGGATGAGGTTCAAATTTATACCTGGAAAGATGCTACTCTTCGCGAACTAACTGATCTGGTCAAAGAGGTA
GCTCCAGAAGCCAGGAGGAGAAATGCTAACTTTCCTTTGCTTTGGTTTATCCCGATAGACATGGTCGGTTTG
TATTGAGAGAGGTAGGGAAGACATTCTCGTTTGGAAATAGACGATTAGACGATAGCTTGGCTTTGGGAGAAC
TTGGTTTTAGATTGGAGATTACTTGGACGTGGCAATCATATAGGGTATGTGGTGCCTTATATACTAATAATT
TGCCTATGGTGAAGAACAAAAAGAATGAGGATATTAACCTCAATCTTGAATGTATATTCCATTTAAGAATTGG
TCGAAAATCCTTTACCTTGTATGTTTTCTTCCCTGTGCCATATGAGGTAGATCGTGATAGTCATTGTCACGTTT
CTTTGAGTTACCTTCTTGATGTATTGCATCAGATGAACCGGGCCATATAATAGAGTTTTCGTTGGGACGATAAT
GGTGAACTATTTAGGCCCTATGGTTTCATTAACATGAGTTTTTCTTACAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_3406 NM_001060696|Oryza sativa Japonica Group Os04g0663100 (Os04g0663100)
mRNA, complete cds

TTCCAGAAGGGCAAGCAATCCAGCTTTCATTGCTGCCAATCCAAATTTCAAGAGCTTAGTTTCGATGGAAAATT
CAGGTAGATCAATCAGTTCATCGTATCAAGAACTGGGGCAGAGTCTTGTATTGGTGTGTGTCATCTGCTTC

AGGTACTGCTCCAAGGACAGAGGAATTATCCACTACAGAAGACTTCATCACAAATCGATCCACAACGGTTCAA
GTTGGTGGCTCTGACTGTGGTACTGAACTTTCTATTACCTCTACTCTTGATTACCTGATTTATCCGAAGCTGGA
GCCTTCGAATATGAGCATGAAACCAATGTAAGTGAAGATATGTGTCCATGACCGTAGCAGCAATAAGAGCACA
GAAATTGACGTGGGTAGTGCTCCCTCTAGTCTAGTTTGAACCTGTATCAACCTCGTTTCGGGTCTCCAGAAAA
GTCTAGTGTTGTATCTAGCGAATCCATCAACAAAATAACTATGAACTCTACTCAAAATGAAGTGAAGCCGGAT
GTAAATGCATCTGATCAGAAGAGAGAACAGGATGCTGAAACAGGTAACCAAAGGTTGTCCCCATCGGCCTCT
CCAAGAAGCCATGGCACTTTTCTGGAATCCCAAGGAACGCCTTCTAGTCAGATCTCAATCAAATCTAATAAGA
GAAAAACTGATGCGAGCAGAAGCAACCTAAAGCGCAAGTCCCTCACTGCAGGTAAGAAATCACCTCAAAGC
TGCATCGCAATGTTGATTTGCCAAATCATTTTGAACCTTTCCTAAAGATGAGAAGATTGAAAAGAGGCGCAA
TTCGTTTGGCTCGG

>trans_s_3407 AY143942|*Arabidopsis thaliana* At1g20110/T20H2_10 mRNA, complete cds

AAACTTCGGGATCCTGATCAATTCATTCCAACAATTCCTTCCATTGAAGCTTCATCGGAACCTTGAATTCCTCAC
CGTCGACGACCATGCAGAACGGCGATTACGGTACTGCTCCCTATTTCCAATACCCAAATCTTCAAAACCTTTCC
TTAAATCCAAGCCCTAATCCAGTTCCCACTCCCTCCGATCGCAACTACGCCTCCGCTCCCCCTTCTCCACCAATT
ATGGTGCTCCGATTACCCTGCTTATTCCCCTAATTATCCTCCTTACTCCCAGAATCCCGATCCCGTCCCTGCTTC
TCCCACTGCTCCTCAAGTTTGAGTTTGTGACAGATGCATGGCAGAAGTGACTCAGAGGCTCGCTAATGCCAAA
GATTTGGCCAGTAAGCCTGCAGGCTTGCATAGCCATGAGGATCTTGCCAAAAAATTAAGGACGAAATGGAG
AGAAACCGAAAGTCATCAGGATCCAAGTCTGATGGATCTGGGAAACGGATGAAGGAAGTTGCATGCCCTACT
TGTACTGTTCAATTTACAGGTCCAGGTTCCAAGCTCAGGTTCTGAGACGATTGAGTGTGGGGTTTGCCAGCATC
CATTCCTTGCTAGCGCTCACTGACTCATCCAGAGTTCTTCTAGTAGAAAGTGCTCTCACAGAATGGCTTGCTCA
TTGTGATGATATATTTTATGTGTTTTAAAGTTTTCAAATAATTGGGCTTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTATTTTA
TTTGTTTCATGGTTCTCTCTCAAAGGCCTTGAACCTTCAATAACTTCATATCAGTTGTGGTTCCATACTAATGTTTT

>trans_s_3408 AY496121|*Capsicum annuum* elicitor-inducible protein ElG-J7 mRNA, complete cds

ACTCCTCATTCCATAACACAACCATGGCCACCAAATCTACCCTCTTCTTCGCCTTTCTCCTTTCTTCTCTGCCATA
GCTTTCTCCGATGATCCGGATTGCGTGTACACGGTGTATATCAGAACAGGGTCGATCCTGAAAGCAGGGACG
GACTCGGTGATTACCGCCACACTCTACACGGCTGCCGGGGATGGAATCAGGATTATCGATCTGGAGAAATGG
GGCGGGATGATGGGACCAGACTACAATACTTCGAGAGGGGCAATCTCGATATTTTCAGCGGAAGAGGTCCA
TGCCTGAGCGGACCGGTGTGTTGTTAAACCTGACCTCGGATGGATCGGGTCCACACCATGGGTGGTACTGC
AACTATGTGGAGGTGACCACGACAGGGGTTCTAGGTCTGCGATCAACAATGTTACGGTGGAGCAGTGG
TTGGCTCTGGATGCGCCGCCGTATAGTCTGACCGCCATCCAGAATAACTGTCCAGTGGGAGTGAGAGTCGCC
GGGATTTGATCCGGTCAGGTGGCCCAAATTTGGAATTGAAGCAGGTGGTTTGAATATGATGTATGGAATAAA
ACTGCTTTATCACAAGGAATGATAAACAATGGGTTTGCAATGAACAATCAGAAAAGGAGAAATAACGAAGA
AAAGACAGCATTTAATCTTAATAATAATGAAAGTTGATGTGCGCAAGGGGGACGTGGAGGGGACTTTGTCCG
GAAGCGATTTGTCTTCGCATTGATCGAACATGTTTTGTTTTATTAAAGTTAAACTTTAGTAAGATATGTGTTGG
CGGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3409 FJ463618|*Pisum sativum* MLO1 (MLO1) mRNA, complete cds

AATGTGGCTATTTGCTGTTCTTTCATCCTAACTAATAACAAATGGGTGGTATTCATATCTATGGCTGCCTTTTCAT
CTCCTTATTTATAATTCTATTGGTGGGAACAAAGCTCCATGTCATTATAACTCATATGGGATTGACAATTCAG
AAAGGGGTCATGTTGTGAAGGGTGTTCGGTCTGTTACAGCTCGGGATGACCTGTTTTGGTTTGGCCGTCCACA
ACTTATTCTTCTCTGATCCACTTTGTTCTTTTATGAATGCATTTACAGTTGCCTTCTTTGCTTGGACCACATAT
GCATTCACGTGGAGGGGTTGTTTCCATCAGCGAATTGAAGATATTGCCATCAGACTCTCAATGGGGGTTATCA

TACAAGTTCTCTGCAGTTATGTCACACTCCCACTCTATGCTTTGGTTACTCAGATGGGCTCTAACATGAGACCA
ACCATTTTCAACGACCGAGTGGCGACGGCATTGAAGAACTGGCACCCTCCGCCAAGAAGAACATGAAGCAG
CATCGCAACCCAGACAGTACCTCACCATTCTCAAGCAGGCCAACAACTCCAACCTACGGCATGTCTCCTATTCA
CCTTCTGCACAAACATCAGCATGGCAGCACATCTCCCAGGCTATCCGATGCCGAACCCGATCGGTGGGAAGAG
TTACCTCCTTCTCACACCATAATAGAGCCCATGATAATCAAGATCAACAAGAACAATCTGAGACTAGTAGAGA
ACAGGAGATGACGGTTCAACGACCAAGTTCAAGTGAAACCGGTTCCATAACACGTCCTGCTCGCCCTCATCAG
GAAATCA

>trans_s_3410 EU223836|Gossypium hirsutum low molecular weight heat shock protein
(LMWHSP5) mRNA, complete cds

ACTAGAACCCAAAGCACAAAACAAAACAAAAACACCAAACAAGAAAGGCTCTATATATTGCCAAGTGTAAGAA
AAACAAAGTAAGGCACCATTTTCATTTCCAAACAATTACTCAACAGTAACATGCCTCACATCCTTCCTTTCTTC
TTCCTTCACCTTTGGCACTGCCACTTTCAGCACACCATTCTTCATCTCTGCTTTGATCGAATTCAGTTCGTACAGA
TTCGCAGGCAAGTCCAATCGGCTCGAGAATCGTCTACGGTCTTCTTCATCTTCGATTCTTTTGCTGCCTCTCCT
TTGATGATCAGTGTGTTCTGCTCCACGCTCACCTTCACATCGTCTTTGCTCAGTCCTGGCATGTCCATTCTGAGA
TATAGAGCATTGTCATCTTCTTTCACGTCCCAACCCCTCCTTGACCCTGCTCCTACTCCTCGTGATGCTGCCAGA
AATGGGTCCTCCATGAACTGGTCCATCAGATTACGACCTGGCTTAGGCTCCTAGTCGGAGAAAATGGATCGA
ACACATCTCCAAAACCAGGATAACGATCACGAGAACGAGAGAGGGAGCGGTCAGAGCGGCGGTCCACATCA
AGAGAACGATCGTGGTCATCGTAGTTGGTCATGTGAGCATCGGTGTTGAACGAACGACCAACAGAGGAAGG
GAGAACAGAGGCAGAGCGAACAGGACGGATAAGTTTAGAGGCGGAGGAAGCGGCAAGCCTTCGGAGAGCG
ATGGAAGAAGCCATTGACGGAAGTTAATGGAAAACCTGAAATTCAGAGAGCTAAGAGTGGTATTATTCGGTG
ACCGCAAGAAATT

>trans_s_3411 HM018600|Vitis vinifera cultivar Xiahei promoter-binding protein SPL9 mRNA,
complete cds

CAAGGAAAACGTAGTTGTCGCAGGCGTTTGGCTGGTCATAACGAGCGTCGTAGGAAGCCTCCACCTGGGTCA
CTATTATCCCCTCGTTATGGCCGCTTCTCTTCGTCTATTTTGAACACAGCAACAGAGTTGGAAGCTTTCTAATG
GATTTTAGTGCATATCCAAAGCTAGCAGGAAAAGATGTCTGGTTGTCAGGTACGAAAGCATCTGAACGAGTA
CTGGGAAACCGAAGCATCGGTTCCATCGGGAAATATGTCCACATCCCTGGCAGAGCAACTCTGAGAACAAATC
AACCTGAACTTCTCTTGCCAGTTTCTGCAGGTGGAACCAGTTTTTCTGGTCCTGGTAATCCTTCGGGTGGAGAA
TGCATTAATTCAGTTACCGACTCATCTTGTGCTCTCTCTCTCTCTGTCAAACGAATCATGGGGTTCCAGAAACCGA
ACGACGACTGTGCGAGGTAAATGCCTTGTTGAATGCTGAAGGTACACTTGTGGCTCAAACAACAACCTCATGCCG
CTACCAATCATTTTCCGACCATGTCGTGGGGTTTCAAGGGGAATGAAGCTCCCCCTAGCAGCTTCTGGACCTG
ACATCTGATCTGGGTCTCAATCACCAAGTTTCACATGCTCTTACCAGTTCTTTCTCTGGTGATGTCCAGTTTCCT
CATCTAGCTAGGAGGCCATATATGGAACCTGGGCATTGCGGTGCCTTCGACTCGACTCAACATCTGCACTGGT
CACTTTGAAGTGATGCTGACACTTCCAAGTCTTCTAGTTCAAGTGAACCTCACTCTCTTTTATGCTTTGAATAATT
GGCTTGG

>trans_s_3412 NM_111010|Arabidopsis thaliana oxygen evolving enhancer 3 (PsbQ) family protein
(AT3G01440) mRNA, complete cds

AAATACATGGGAAAAATGGAACTAATGNTGAACAAGCACACAGAAGAATTATGGAAAAGCAAGCAGTTCC
TCAAACGCTTCTGATCAATAAATTGTTCAATTTATGCCATTCTATCCATGACTTCTTGAAGTATCGGTGTTGTT
TGTTGGTAGTAGGATTCACTTTCAGATTCTTTTGCTTTGCTGCATTTTCAAGCTTTTCGAAATTGTCAAT
AATCTGTTGCTAAATCAACAAGAGGCTGCTTCTCATCGTCTGCTGCTGCCGAGATAACTTTGTCAAAATCATA

GTACATGAAGGTTGATTTGAGTCGAAGATACTTTCTGACATAATTCAAAGTATCTTTCCAATCAAATCTGCCA
TAGCTAGAAGATCAAATGCATATTTTTCAACCTGTATTTCTTCCTTTGTTCTATGTTAGCTATGTATATCCC
TGTCTTCAGAAACGATCGTGTCCCTGTTTGCTCATTGCAATGTTGTTGTCAACAGAAGGGACAAGCAAAGGG
CCATCAAGCCAATACTCGTTAGCTAAAGCAATCTCGGGGGATGCATTGCCAAAGAGAGCAACAGAGACAAGG
CTGGTTAAAGCCAATCTTCTGTCAATGAGGTTTGATGAGAAGAAACATCCGTTTGTTCCTTGAGAAACCCAGT
AATTTTGAGTTTCTTATGAATGTTTTGAAGCTTTGGGAGATTGGGAATGGCGGAGAATTTCCCGTTAAATTTG
CAAGACGAGCCATTTGATGGGAAGACTAAGATGAGAAACGGAGGAAATTAGCAAAAGGAAGAAGCAGAGCT
TCTAATTT

>trans_s_3413 NM_121073|Arabidopsis thaliana polyadenylate-binding protein family protein /
PABP family protein (AT5G10350) mRNA, complete cds

CGGAGAGAAAGAAAGGAAAGAAACGAAGGGGCGGTGGACGGAGGAGGGAGGAGAAGCCATGGAACACGA
CGACATCGACATGATTGGCTCCGACACAAACGACGCTGTGGAGTTGGATGACATGAAGAAGCGGTTAAAGGA
CATGGAAGATGAAGCTGCTGCTCTACGTGAGATGCAGGCCAAGTCGAGAAGGAAATGAGTTCTGTACAAGAT
CCTGCAAGTGCTGCTGCAAGTCAAGCAAATAGGGAGGAGGTGGATTACGGTCAGTTTTTGTGGCAATGTT
GACTACTCATGTACCCAGAAAGTACAGCAACATTTTCAGTCATGCGGAACTGTAAACAGAATCACTATTC
GCACTGATAAGTTTGGGCAACCGAAGGGTTATGCATATGTTGAATTTGTTGAGCCAGAAGCTGTTCAAGAGG
CTCTCCTTCTGAATGAATCGGAACTGCATGGTCGGCAGCTTAAGGTAAGTCCAAGAGGACAAACATTCCTGG
GATGAAGCAGTATCGTCCACGTGATCCAATCCATTTATGGGTGCACGATCCAGGAGTCCATATGTTGCTCCTT
ATTTCTTCTCACCATATGGATACGGGAAAAGTCCCGAGGTTTCAAGTCCAACGCGTTACGACCCCTACTATTGA
ATGTTAATTTTGATTTGGGCATTGTTGAATTAGAGATATCGCACTTAAATGTGTCTGCTGCCCTTTTTTCTTTC
TTTATGATGGAAATTGATGTTTGATATAATTTCAAGAGATCTTTCTGTTTAAAAAGAAAGTGTATGAGTAAG
CACAATGCANGTTTGAT

>trans_s_3414 NM_001068058|Oryza sativa Japonica Group Os08g0319900 (Os08g0319900)
mRNA, complete cds

AGGATGGCGCCATTTGCCGTTGAAACCATGAACCACTCACTGCCACTCCAGCTACTACTACTATACTCACTACT
CTTCACAATTTCTCCGCCTCAATTCCTTCCCTTTCCAACAAATTGAAGCACCGGTGTCCAGCAGCAACGAAAT
TCTCTTCCCTATCCGTAGAGAGGTTTACGGCAATGGTCAATCTTCGACATCACTCACCGATACTCCCCAAAGA
CCCCGTGTTGGGATTTCCAGGAAATGGGCTCGGCCAGTTTGTCTGGTTGACGAAGACCATGAAGAACGGCT
CCAAAGCCAATTTCTCCAGTTTAAGCTTCCAATCATGCCGGCACGCACGTGACGCTCCTGGTCACATGTTT
GATCATTACTTCTACGCTAGATTCAATGTGATACGCTCGATTTGGGAGTGCTCAATGGTCCTGCACTGTTGGT
GGATGTACCAAGGGACGCAAAATATAACAGCTGAAGTTATGAAATCCCTAAATATCCCCAAAGGAATAATACGC
ATGTTGATCAAAACACTAAATACTGACAAGAAGCTCATGTATAAAAAGAAATATGACACAAGCATATACTGGA
TTCATGAACGATGGAATAAATGGTTGGTGGAGAATACTGACATCAAACCTATTGGACTTGATTACCTATCGG
TTGCAGATGATGATGACCTGATTCCGGCTCACCTTGAGCTTCTGCAAATCAGAGAAAACATTCTGGTGGAAGG
CCTAAACTGGACGACATTGAGACTGGATTATATACAGTTCATTGCTTGCCTCTGAAGTTGTTAGGAAAAGAG
GGATCACCAA

>trans_s_3415 NM_120307|Arabidopsis thaliana NAK; ATP binding / kinase/ protein kinase/
protein serine/threonine kinase/ protein tyrosine kinase (NAK) mRNA, complete cds

ATCATTTTCATCATTTCCCATCTCCTTCCCCAAAAATCAGAGTCTCCCATCCCATGGGCAACCTCTGCGCCACT
CCCGTCGATACCCACACCCCTCCCCCACTATTCTTCTCCCAAGTGTGTTCTCATCGACATGCTTGGACGCAG
CCGCGGAATCTTAGAGTTTACAGTCTGACGGAGCTGAAAACGGCCACCAAGAATTTCCGGCCGGATACTATGC

>trans_s_3416 BT004776|Arabidopsis thaliana At4g01650 gene, complete cds

>trans_s_3417 NM_100905|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR) family protein (AT1G10310) mRNA, complete cds

>trans s 3418 BT001004|Arabidopsis thaliana At5g10770/T30N20 40 mRNA, complete cds

ACCATNGTAACCAAACCCAATCTTTCCTCCACCGACATCGTAAACCACTTGCAAAGTCTTCTGTTGCACATTTCC
GATAATGGCGACGGTGCTAGGATCTTGATTTCTGCAAACGCCAAACACACCTGCGACGTTGATGCTCCGTAC
ATGATTCCGGTGCCATCCAAATCGAGTTCTTCTTGTCCTTTAAACATAATCCCCACTTTCGGGATCTGTATAGTG
GAGTATTTGCTCAAATCGTAACACGTGTCAAATCGAAAGCTCCGGCGCCTTCGGATACCTCGCCATTCCTTT
CTGAAACGCTGATTTCAAGGCACTGTACGCATCCGGCGGCAGCCGTGTGATAACCGTACCGGAATCGATGATC

GCACCCGAGGTCGAGAATACCGACGAAGAAATCGGAATTTGAGTTCGCCAACCTTTATGCCTACGATGTCTA
AGCCGTAAAAATTTGCGACGCCGTGTGCTTTTGATCGGCGTGATTTAAGAGCACCGCCGCCGCCGCCGCC
GCCAAAGGTTAAGTAGCCGGTGGAAGTCTAGGAAGGCAGTAGGAGAAGATCTGACCGTACTTTTG
TGCGGTTTGTTTAACGATGGAGATTTTGTCTGGCCAAGGCCAATGAGACCGGCGGCGCTACCGAAGAGTCC
ACGGTTGTTTTGGCCGAACCGAAGAGGAAATTTCTATAACGTCATTGGAGGTTAAGGTTAGGGTTTCTTTG
GCGAAGTATCCAACAGAGAAAGATTGGTCGCCGAATTGTATTCCGTAAATGCAAGCTCTTGCGGCGGAGCAA
CCAGGCTGGTTC

>trans_s_3419 AJ296275|Arabidopsis thaliana partial mRNA for DEAD-box RNA Helicase (hel gene)

AGAACAAGACGCCGGATGCTGCTTTCTTGAATAAGAAAGATGCCCTCTGCAGATTGAAGAAGGAACTCCAAT
CTCGAAAATATTGTTTTCTGTAACAAGATTGACACATGTAGAAAAGTTGAAAATGCATTGCAGCGTTTTGATA
AAAAAGGTAACCGCTTGCAAGTTTTCCATTTCTGCTGCCCTAGCAAGAGAGTCACGGCTAGCAAATATTGA
GGCATTTACCAATTCTCATTCTAACCAAGTATCCAAGTTCTTGGTTTGCATGATAGGGCATCACGTGGAATTG
ATTTTCAAATGTGGATCACGTCATACTCTTGACTTCCCTCGTGATCCTAGCAAGTATGTTACCGTGTTGGGA
GAACTGCCACAGGAGCTACAGGAAAAGGAAAAGCATTATCTTTGTGGTCGGAAAGCACGTGCCCTTGCAC
GGAGGATAATTGAAAGAAACAGGAAAGGCCACCCATTGCATGATGTGACATCTGCTTATGAGCTTACGTACT
AAATAATGACTTGCCAGAAGAAAGCAGCTGATGACATTACTGGAAGAATTAGTTGAATTAACAAGATGGACA
CTGAACTTCAATGGAATGCAGTTGTTCCCTGCCATTGATAATGAGGTTTTTCCCTCTCAATCTCTCTCATA
CTAATCTCTCTGAATGTGTTTAAGTGTGTTAGCAAATGCATTATTAAATTTCTGTTATAGCCAGCTTAGTCGTA
TTTCAGCCGATGGATTGTTCTAACTGATTGTTACAAGTAATTCATTCTACTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_3420 EU714073|Thellungiella halophila ST45-109 mRNA, complete cds

TTGTTGATCTCCGTCATCAATAGACGGAACCGGCGTCCTCTCTTCTGCTTCAGCATCTCCCTCCACTCGTTGCAC
CACAGATGGCGAACGTTCCGGGGCAGTTGGTATGGGAAATCGTTAAGAAGAACAGCTCTTTCCTCGTTAAAG
AGTTTGGCAGAGGCAATGCCAGTGTTCAATTTAGCAAAGAGCCTAACAACCTCTACAGCCTCAACTCCTACAA
GCATTCCGGGTTGGCAAATCTTAAGACGGTCACCATTCAGCCTGGAGGCAAAGATTTGTCAGTACTGCTCGCG
ACATCAAAGACAAAGAAGCAGAACAAACCAGCAAATTCGCTCCACAAATCCGTCATGAGGAAGGAATTTCTC
GCATGGCCAAGGCTGTGACTAATCAGGTAGCTGACAACTACTACCGCCAGACTTGAAGAATGCTGCCCTTGC
TAAGCTAAGCGCAGTGACAGGAGCCTCAAGGTCGCCAAATCGGGTGTGAAGAAAGGGAACAGACAGGCTG
TTAGGACCCGCGGTAGGAAGTGAAACAATCGTTCATAAGGAAATTTTCTTCTATCTGAGTTTTATTTTTTAACC
CTGTTTTCTATTTTCTAAGGAGAGACATCTAGAGGGCTTTTCTTTATTTCAAATTTCTGTACCCTACTTGA
ATAGGGATTTTTGACGATTTTGGTTTATATTTGAGCACCTGCCCTTAAGATTTATGTTAATTTCTGTAGTCTAA
AAAAGATTGGTTAAATTATGAAATATTGATACCAAGATATACTCTTGGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_3421 NM_001059241|Oryza sativa Japonica Group Os04g0404900 (Os04g0404900)
mRNA, complete cds

TTCTCAAAGATATTTTCTGTGAAATGTGGCACACGTGGTGACACTGGACCTGCCTGCAATGCTGTGGGAATG
ATAGATCGTAAGATATTTGGTATCCAACATCTGTACAAAAGACCTATTTATGCGCGGACTGAGCAATGTAGCA
TTAATGCACCAGACTATGGCCATTGCCCTCTGATGCTCCTTCTTGGTGCCAAGCTCCTTTTGATCCCGAAGGA
CTTTTAAGTACAGTGATGGCTGTTGTTACCTGCTTGGTTGGCTTACATTATGGACATATCATTGTACATTTCAA
GATCACCGAGACCGAATGCTTCATTGGATTATACCTTCTTCTTGTCTAATTGTATTGGCCATTGGCCTGGACTTC
TTAGGGATGCATATAACAAGGTTCTTTATACAGTTAGTTACATGAGTGTCCTGCTGGTGACGCTGGACTTCT

CTTTACCGGGATATACTTGATGGTTGATGTGTACAGTTGGAGACGCATGAATGTGGTGATGGAGTGGATGGG
AAAGCATGCATTGGTGATATACGTTCTCGCCGCTGCAACGTTCTGCCTGTGATTCTCCAAGGCTTCTATTTGG
GTCAGCCTCAGAACAACATTCTGAGGCTAATTGGGGTTCCATCATGAAGGGGACTCATCTTTGGATATATAG
GCTAGACCACATAGCTCGTCATGATGTCGATTGGTGGTTGATTGATATTTTCTATTAAAAGAGGAAGGAACAA
TAAAATAGAGAGGTATATGGTCGCTTCATGTGGTCAATCAAGCACTCTGCTCGGCTCGTATCTAATAGAAAAG
ATTAGTTT

>trans_s_3422 XM_002872185|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata D111/G-patch domain-containing
protein, mRNA

ACAAACTGGCAATGGAGTTTGAAGCTCATCTCAGCTCATATGATCGTAATCATAGAAAGCGTTTTAAAGAAAT
GAGAGAAATGCATGGTTCAAGCAGCCGGGATGACAGAAACAAGCGGGAACAGCAACGTGAAGAGAGAGAG
ATGGCCAAATTTGCTCAAATTGCAGATGCCCGGAAGAAGCAGCAGCAGTTGTTGGAGCAACAAGAAAGAGCA
GCCGAGGCTCCTGTTCTACTGAACTTAGAAATGCTACATCAGTTGCAGATCAGGATCAGCGGAAAACATTGA
AATTTGGATTCTCTTCTAAAGGTGGCACCTCAAAGAACATGTTTGGTGGAGCCAAAAAAAAAACCGAAAGTAG
CACCTGTAGCTTCTGTTTTTGGGAATGATAGCGATGACGAATAGAAAAACCGTTCCTAAGTTGCATTTTGTATC
AGCATTTTGAGGTTGTATCTTCAAGGAACACCTTCTACCTTCCGTAGAGTTCTTGTAATCTCATTCCAGTGGAT
ATTCTTGTTTAACTTGTTGATACTCGCTCTATTAGACTGATGTGTCTATCTTATTTGAAGCCGAGTGAGTTAGT
CTGATGAAGATATCCATACAAATATCATACCCAGACAATATCCTTATACAACTGTAGTTGTGATATTTTCTG
TTATTATAAGTACATCATGCAAATGAGACTGGATAATATTGTAATCTAAGACCGTTGTCAAAGTTTATCATGTC
ACCAGTCTTCTGAATACGTATTTTATACTGGTATGGATTGATTGCTATTTTTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_3423 NM_100092|Arabidopsis thaliana VAD1 (VASCULAR ASSOCIATED DEATH1) (VAD1)
mRNA, complete cds

ATCACCAACCCAACGATCACTGCTTCTCAAAACTCACAAAAGCTGGTTCTAACTTCTACCGGCCCTCTCTGCTA
TGGCAGCTGCGGCTTCAGCGGCGGCGCCTGAGATAATTGAACTACCTCGACCACGAGACAAGCTCCCAACCA
ACCTATCTCCAGACTCTGCTTCTTGCTACCCACCCGAATCATCTTCTCCTCAGCTGACCGCATATCCGATACCC
ACGAGTCTTCTTCTTACCAGACGGTTTTTACGAGGACGTCGGAATTCAGTCATCTGCATTATTAAGAAGTGAA
GAATATCGGCAGTTGTTCCGCCTGCCATTGGATGAAGTCCTTATTGAAGACTTCAATTGCGCTTTCCAAGAAAA
CATACTAATTCAGGGCCACATGTATCTGTTCTGTCGACTATATCTGCTTTTACTCCAACATCTTTGGGTTTGAGAC
GAAGAAAATAATCCCATTTGAGAAATAATAGCTGTACGTAAAGCAAAGACGGCAGGGATTTTTCCTAATGCC
ATTGAAATTTGTGACGGGGAGAAAAAGTACTTCTTTCATCTTTTCTATCCCGTGATGAGGCCTTTAATCTCAT
TAATGATGGCTGGTTGCAACATGCTAAAGGTACCGAAGCAACTATGACAAAACAGAAATCGATAAATGAATCT
AGCAGACAAGAAATTGGCATCCTCGGTGTCGAAAAGGCCAAGGAGCTGGATCCTTCAGATTCTTCTGACAGG
AGTATGGATACTCCTATTCTTAATGTTTCGGTGGTTCAAGCCAACGTTGAAGAGGTAAATGTGCCAACCACGCT
ACCACT

>trans_s_3424 EU372998|Gossypium hirsutum gland development related protein 5-like mRNA,
complete sequence

ATTTTACCTAAAATCATTGCCAATAAATTATAGAATTAATTCCCTCTATCTATTATCGCCGCCGCTTCCTTTCTTC
GCGCGAGAGAAAACGGCCTGAAAGATTACATTAGAAATGGAGTCACCAACCAAATCGGAGAGCGTTTGTAGA
GACCCTAGAGTTGTTGGAGAGGATGATGTTGACGATGATCCGCCGTTGCTGAGCTTTCATGCCCTAGCTGCAC
TCAAGGAGTTCCTTGCCGAACAAACCCAGCCCTCCACTGAGCCTCACTTGGAAAATGGAGTTTCCGAGGATTC
GGAAGTCGCTTAGTGGCGGAGGATTGGAGGCTGAGTCAATTCTGGTACGACCGCCACACGGCGGAGACAG

TGGCTGATGAGGTTCTTACGCTATGCCAGAAATTTGATTCTCCTCGGGTCGCCTGTATTGCTTGCCCCACTCTCT
ACACTTATCTGAAGAAAATTGGTCCCAATGTATCTGCACAACCTCTTGAGTATGACAAACGCTTTTCCCAACAT
GGTAGTGAATTCACATTTTATGATTACAATGAACCAGAAGAATTGCCAATGGAATTGAAGCACAATTTTCAGA
TTGTAGTAGCAGATCCTCCTTACCTGAGCAAAAAATGTTTGGAGAAAGTCGCTCATACAACCTCTTTTCTAGCA
CAACATAGTGAATCTTACCTGCTATTACTAACAGGAGAAGTGCAAGCAGAAAGAGCAGCTGAGCTAATGGGT
TTCCATCCATGTGGTTTTAGGCCACACCACTCTAGCAAGCTCGGAAACGAGTTCGACTATTCACGAACTATAA
TCCGGGGACG

>trans_s_3425 GQ860950|Brassica napus GTP binding protein gamma subunit (GG2) mRNA,
complete cds

CCACTCACCTGAAAAAGGGCCAAAACAATGCTGAATAAAACACCCCACCAAAGCGAACTGACTCTTAGCGCC
TCCTCCTCCTAACTTCTCTTTAAATCCATCACTTGCTGCCAAAAGGGGTTCAAGGAATTTCCATATCACTTCTG
GGTCTTCCTTATTTTCGTCTTAATGGCTTCTGTTTGATTTTTATTGACTTACTACTACATTCCAGCTTTAGGGTTT
GAATTTTGTAGTTCTTGAATCGCGGAACCAATCGGGTATGTCCAATCGGCTAGCCCAATAACCCACGGGTTT
AGTCTTCTTCTTCTTCTCGATTGATACCAGAGGAAAACATCGGATTCAAGCTGAAGTGAAGCGGCTCGACCA
AGAAGCAAGGTTTCTGGAGGAAGAACTGGAACAGTTAGATAAACTGGACAAGGCATCGACAAAATGTAAAG
AAATGCAGAGCAATGTGGAGACAAGAACAGACCCTCTTCTCCACTAACCCACGGCCCCATAAATCCGCTATG
GGATCGATGGTTAGAAGGTCCACAAGATTCTAAAGGTTGCAGATGCTGGATATTGTGACATTATTTGGATTTT
TCTTTGAATTCATTACAGATTGGGAGATTGTGATATGAAGATCATTGCTACTTTGGAGATTTTAACTCCCATTCT
CATTTGTTGTTTGCCAGACGTTTCTTCAACTTACGTACTTTTGTGAATAGTTTTTTTTTTTTTTTTTCTAAAAACAA
TGTTGCATTCATTTGAAGACACTTACCATAAAGGTATTCCATTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_3426 XM_002880080|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mtACP-1, mRNA

AGATATGAAAAAAGTGAAAAATATAATTGCGAACTGAATGAATAATCAATAAAGTTCTAAGTTCGAGTAAT
TGGTTTTGCAAGAAGAGAAAGGTTTGAGAAAAATGGCGCTGAGGGCAGCCGTTCTTCGCCATCTTCGAGTTC
CAGTCCAGTTCTACGCCCTAGCTCGCCGGGAATGCCAGCCGACGCCTTGTCCGGTGGATCTCTCCGTCTATTT
TCATCCCACGATGATCACATGACAAAGGACGAGGTCATTGAGAGAGTTCTCTCGGTTATCAAGTGTCACCCGA
AAGTCGATCCCTCCAAGGTCAGCCCTGATGTTTCATTTCGAGAAAGATTTGGGTTTAGACAGCTTGGACACCGT
GGAGATTGTAATGGCCTTGGAAGAGGAGTTCAAGCTGGAGATACCGGACAAGGAGGCTGATAAATAGATT
CCTGCAATCTTGCAATTGAGTACGTATACAACCATCCAATGGCTAGTTGACAAAGTACTAGCATCTTTCATTTT
GTCTATTTATTTCTTTGATGTTTTTGGGGTATGTTATTCAGTGAAAGAATTTTCATCTCAACATTGTTGTTTGTAC
CGTTCTCGGATGTTTGTGAGATTGCAATCCTTTGAACTATGGTGGAAAATAATTGTAAGTCTTGAAACGTA
GTACATTCTGTCTAGACAAATTTTCAGGGCCTACAATGGTTATAATTTTGAAAAANAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3427 BT024549|Arabidopsis thaliana At5g09960 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTACTTTTATCAAACGAAGAAGAAGAAGAATATAAGAATTGCGCAGTGTCGTTGCCC
GCTGCTTCTTCTTTGCTTCTGCTCTACGCTTTCACTCTCAATCCTCTTCGCTTAGTATAGAACTTGAACTCCTCTT
TTTTTGCTTCAATCGTCTTCTGTCCGGTGTTCTTCGTTGACAACTTGACAGATGGATGATCGGAAGGAGAAAAC
TGCTCCCTGGCTTTCAGTGCCACAATTTGGAGACTGGGACCAGAAGGGACAGCTGCCTGACTACTCGCTTGAT
TTCTCAAACTTAGGGAAAATAGGAAACAGAACAAGAGAGATGTGTCTCGGGCGAGTCTTGAAATGAAGA
GGAGCTGATTGCCAAAGCCGCACCCCCAACGACAACAGACTCTTCCCTACTGATAATCATCACCCCTTATCATC

ATCAGAGTCACCAACCCCCACCGACAAGAAAGAGCATTTTAAGTTGCTTCAACTGCTGCGTGAAAGCTTAATT
GAATTAAGTAAGGTCTGTCTTGAAGATGACCTCTGCAGGCTCACTTGTAAGTCTAAATGTCATTGTATTAATTG
CTTTGGTACGAATACCTCTATTCTCCTTTATTTGAATCAGAACAAGTATTATATGTTTGGATTTTGTATGATG
GCTCTGTTTCATTATTTTGTCTCTAATTAATCCTTTAGTTATAGAATCCATTTGGCGATTGAAGCACTAGTTGAT
TATTATAGTTGAGGGGTGTTAGGCCTCTGACTTAAGGTTTAACCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_3428 DQ975456|Capsicum annuum 26S proteasome subunit RPN7 mRNA, complete cds

ACTTCTTCCTTGGTGCCTCCTCCTGCAAGAAAGGCATCGCAGAAACGAAGCTCAAATTCCTTACTCACCGAGTC
CTCTCATTTCTCAGCCGCCATGGAAGGCCAAGAAGGAACTCAGCAGCCTCATCTCGTTCTTGCTCACAAGCTTT
TCCTTCTAATTCATCCCGATGTTCAAGATATCGAGAAGGTCCGTCTCACGGAGGAAGTATTGGCTTCGGTTAAA
GCAGATGACATGTCTCCGTTATACGAAACCCTAACGGGAAGTTCGCTGTTGGAGTTGGATCGGAGTGTGTTG
GACTCGATGCGTGCGAAGAATGAGGAGGAGCTGAAGAAGCTGGACGAGAAGATTGCTGACGCTGAAGAAA
ACTTAGGTGAAAGTGAAGTTCGAGAAGCTCATCTGGCCAAATCTCTTTTTTTCATTTCGATTGGTGATAAGGAC
AGAGCACTGGAGCAACTCAAGGTAAGTGAAGAGCAAAACAGTTGCAGTTGGACTAAAGATGGATTGTTTTC
CATAATTACAGCTTGGATTTTTCTATATGGATTTTCATCTGATCTCCAAAAGTATTGACAAAGCGAAAACTT
GTTTGAAGAAGGTGGTGATTGGGAAAGAAAGAATCGTCTGAAGGTGTATGAAGGCTGTACTGCATGTCCAC
TCGAAACTTCAAGAAAGCAGCCAACCTTGTTTTGGATTCCATCTCAACATTCACAACATACGAACTTTTTCCTTA
TGACACATTCATATTTTATACTGTTCTCACAAGCATTATATCATTGGGATAGAGTGTCTCTAAAGCAAAGGTA
GTTGATGCTCC

>trans_s_3429 AL161493|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 5

AGGTGATACACATACACAAATTGGCACTTATAAAAACCTTAGCTTATGAAGGAAGAGGAACAGGGTGAAGTG
AGAGACCAAAGAAAGGGAAGGAAGTGGGTGAAGTGAGCAAATCAGTTGTAGGGCAGCCCCACGTTGGGCA
TGGCTTTGGAATTACTTTGGTAACCTTTTAGTTTTCTCTTAATTGTTTCCAATTAAGTCAACTTTTTCTTTTT
CATTTTCTTACCTCAGTTTGTATAATAATTGAATTTCTTTGTCAAATTTAAGAAATAAAAAACAAGTTTTCAATTT
TTTTCTTTAATTTTAAAGTTAATTCTAAGTAAAAAGAGATATCAAGGCAATAAGTTTCAAAAGCTAAAGATG
AAAAATCAAATGTTTACAAAACGAATTACGATTTGTTTAAAATTTCAAGGTTAATTCCGTAGACTTAGCCCAAT
GGGGCTGCCCTGTAAGTCTTTTGGCTTAATTTGTATTGAGATTAATCCCTACGAGACCTTATTAAGTGGGGC
TTCCAATTACAAGCGGAGAACGCCTTAAGGTCTTTTCTCTGTAGCTGTCGTCCTTTGTATTGCTGAGTACTTGA
TCTGCAGATTCAAAATTTTTCGGTCAAGCGTAGCTTTTCCAACAAAACTCTACAAATATTTTTAGTTTAATTTTC
ATCCAAGTCCATGCACTAATATGGTTGAGTCTCCATGAATTTTTCAACCGGGAATAGGATGGTAAAATGGGTG
TGTGTGTCTATGGCAACTACAGGGGACTAAATTGAAAATACTTTATAACTAAAGAGTACTATATATATATATAT
A

>trans_s_3430 NM_106517|Arabidopsis thaliana brassinosteroid signalling positive regulator-
related (AT1G78700) mRNA, complete cds

TGATCACTGCAGATATTCCAATGTCAGAAGTGATCTCTGATGAGTTCGCCTTTGGAAGCAATGCAGCAGGT
CTAGTGAAGCCATGGGAAGGAGAAATAATTCATGAGGAATGTGGTTCAGATGACTTAGAGCTCACTCTTGGC
AACTCAAGGACCAGGTAGATGTAATGGATGGATAGCACATATTGCCAAATGGTTACTTCCAAATCCCTGGTGA
GAACTATAACATTGGGTTCAGGTGAGCATTACTGATTCAAGGCTCCCCCTTCCACCACCACCACCACCCAT
TATTATTCTTTTTCAAATTTTCATTTTCCCTCGTTAAGAAGTTATATATACAGGTCCATATCCTTTTGGAACTGA
ATTTTTACTGTTAGTGTCTATATGTATGAGTTGTTTGTCTTCAGTATTTGGTTTTCCCTTTATAGATTACCCAAA
AAAAAAAAAAACAAAAAAACAAAAAAACAAAAAAACAAAAAAACAAAAATACTGAATGAGGTGATGAGATAATCCA

TATGCAACAGTGGTCTAACTTTTGTGGATATCGAGAGAGTGGAACTTTTCTTCCTTTGGCTTTTCTTTCTTCA
ATGATAGTCATTGTTGTTATCATTTGGCCTGCCAGTTCAAACACTTCATCAGCAGCTCCTCAGCCTTTAGTTTGT
TCATCTCTTCTATTGCTAACTCAAATGAAAACCTCTGTGCCATCTTCTAACTTCATTTTAGTTTCATACAATTAA
TGTACATCTTTTGTATTATTAATGTCTGTTATAAGGCTGTGTGACGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3431 AY058150|Arabidopsis thaliana AT5g02020/T7H20_70 mRNA, complete cds

ATCATCATTTTCATCTCTGCAATCTCCCCAGCATTACGTGTTCTTTCTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTCTTC
CTTCCTTTTCTTCTTCTTCTCCACCACCTCTGTTTTCTTCCATTTCCATACCTCCATTAACAACCTCTACTCAAACC
CATTAAAGCTCCCTTCTCCATTAATACTTAAGGGCTTCTCATAACTCAGCTTTAATTGAAGGGTAACTCTGTTT
TTCACTCATTAAAGATCATAATGGAAGGAAAAAGCATGTGGGTCTTGGATCCTCTTCTTCTTCTCTACTACTG
ACCTCTTCGGCTCCAATGAACTTCTACTCTTCCACCCTGGGATTTTGGCTCTATTTTGGCTCTTCTTCTTCCAA
GGTGTTAGGGAGAGAATCTCTGCTCTCTCAGACCAAAGAGAGAGAAAGGAATTCTGTAAATGAGCCATGGAA
CCCCAACGCCGAAGCTCAAGATGATAATGCTAATCATACACAAAAGGAGAGTCAGGAGATGAAGAACAAAGA
TATGAGTTCCATTTATCAGGATCAAAGTGCACAACCATGTCATCTTAGCTCATCAATCTATTATGGGGGCCAAG
ATGTTTATACTCATCTCAGAATTCATACAATTCCGGGGCGAACTCTGCTTACAAGAAGGAAGGGGGGAGAAGA
TGATTCTGGGAGTGCTTCAAGAGGAAATTGGTGGCAAGGTATGAAATAGAGGCGCTTCTTATGAGAGAAATA
TTCAACATTATCTTTCTTCAAATACCCATTTTACTCCCAATCCTTGTGTTTGCAGGATCTCTCTATTAT

>trans_s_3432 AY326306|Cucurbita maxima gibberellic acid insensitive phloem (GAIP) mRNA,
complete cds

ATTCAATCATTTCAGAAGATGCCGGTTCACACCATTTTTCATTTTCTAAGTTTTTGATTCTCTTCCCTTTCTCTTG
TTCATCCCATTTTCTACCCACTCTCTACCGCTTAGACAACCCAATTTTCTTTCCGCCGTTGTTGTGAATCAAG
ATGAAGAGGGAGCATCACCATCTTCATCCACGTCCGGAGCCCCCTTCCATGGCTGCCGTCCCTAATGGGGAGA
GTTTTTTGAACACCGGTAAGGCTAAGCTCTGGGAAGAGGAAGCCCAGCTCGATGGAGGAATGGATGAGCTTC
TTGCTGTTTTGGGTATAAGGTTAAGTCCTCGGACATGGCGGATGTTGCTCAGAAGCTTGAACAACCTGAAGA
AGCTATGTGTCAAGTTCAGGATACTGGACTTTCTCATCTTGCTTTTGATACTGTCCATTATAATCCCTCTGATCT
GTCTACTTGGCTTGAAAGTATGCTCACGGAGCTTCATCCGATGCCTAATTTTGCAACGCCACCACCTCCTTCGC
AGCTGGATGATTCTTCTTTTTAGCTCCGGCGGAATCCTCCACCATCACTTCCATTGATTACGACCCTCAACGGC
AAACTAGCAGCCGGATTTTCGAGGAATCTTCGAGTTCTGATTACGACCTTAAAGCTATCACGAGCAGTGCGAT
TTATTCACCGAGAGAGAATAAACGTTTGAAATCTTCGAGTCGGACTCAGATGTGTTCTCTACCTCGGCGATTG
GGGCTTCTGATTCTGTAACCTCGTCCTGTCGTCCTCGGCTAATCGCAGGAGAACGGAATTCAACTGGTTCATGC
G

>trans_s_3433 XM_002873902|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-dependent protein kinase
19 (CDPK19), mRNA

AATCAGGGAGAGAGAAATTGGAATTGAGAGAGACTCACAGACAGAGAGGAGAAGGGTCTCTGCAAAATGA
GCTTTGACCTTCTCTCTCAGAGAACCCATGGTGTATTCACACTTTTGATTCACTTTTCCCCCTCCCCCTTCTT
TCTACCTTTGAAATAACTCTTCAATCTCTTCTTCTCAGTTCTTCAACAGATTCACGTAAGGACCCATTTT
ATTTCTGGGTGTTTTCCAACAGATTTTGATCTGGATTTCAATTTAGGATTTCTGAAGAAGAAAAGAAAAATTA
AACCTCCGAAAGCTCGAGGATCTGATTTGATTAATGGGGAATTGCTGTGCTACTCCGGCTACTCCTTCAGGG
CAGCAGCACAAAGGGAAAGAACAAGAAGCAGAACCCATTTGCAGCTGATTATGTAGTGAGCAATGGCAATGGT
GGTGGAAGCTGGGTGTTGAAAGATCCAACGGGTGCGAGACATTTCTGCCTTATATGATCTGGGAAGCGAGCTT
GGAAGAGGTGAATTTGGAGTAACGTATTTGTGTAAGTATGAGAAACACTGGAGAGAACTTGCTTGAAATCA
ATATCGAAAAAGAAGCTGAGGACTGCTGTGGATATTGACGATGTGAGAAGAGAAGTTGAAATTATGAAGAAT

TTGCCTAAGCATCCGAATATTGTGTCATTGAGAGATACTTATGAGGATGAACATGCTGTTCATATTGTTATGGA
GCTTTGTGAAGTGGGGGAGTTGTTTGATAGGATTGTTGCGAGGGGTCATTACACCGAAAGAGCTGCTGCAGT
TGTCATGCGGAC

>trans_s_3434 NM_001035851|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing
protein (AT1G01490) mRNA, complete cds

TTTCAATTCCAAAACATTTTCATCATTTTTTTCTTTCCATTCTCTAAATTTTCTCAAACCTCCTCTTGATTCTCGGT
TTTAATCTCTCAAGCAATTATGAAGAAAGTTATCGTGAAATTGGATGTTTCTGATGAAAAATCTAAGCAAAAA
GCTATGAGTGTTGTGTCTAGCCTATCAGGAGTGAACCTCAATCTCAATGGACATGAAAGAGAAGAAGCTGACA
GTAACAGGAGACGTAGATCCAGTAGTGATTGTAAGCAAATTAAGGAAAATTTGTCATACAACAATAGTTTCCG
TTGGACCAGAGAAAGAAGAGAAGAAACCAGAACCAAAGAAAGATGAACCAAAGAAGGAAGATCCAAAAAA
AGTAGCTGAGGAAAAGAAGAAAGAAGAACAAAGACTTGCAGAGTTCATCAAAGCTTGTCAGCTTATAATCT
CTATAACAATCCACCACCAGTTTTCTACCCTCCTAGAAGCATTAGCATTGAAGAAGATCCAAATGGTTGTGTTA
TTTGTTAAATCTCCCTCACACTCTTTCATAAAACAGTCCATTTCAAAGGGTAATGATGAGTTTGGAGGAAG
TTTCATTCTTTGCAAAGTTCTAAACCTAAGTTGAAATTTACCCTCTTCCCTCTTTCATATTGTGTGATTTTCAT
GTACCAATCCCTCCCCCTCCCCCTTTTTATGTATGGAAGATTGCAATTTGCTTCCTTCCAAACATGTAGCGA
ATAAAGATACATATTCCCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACATAAAAAAAAAAAGAAAAA
AAAAAA

>trans_s_3435 EF554358|Vitis vinifera GDP-mannose-3',5'-epimerase mRNA, complete cds

TTATGGTAACAAAGAAGGATTTGAAATACTAATCCTGTAATCAACATAGTTTTAAACATGAGGCGAACCATAT
AGTTCACTGGGAAAAGAAAATAAAATATTTCTACTTTAAGGAAAGAGGATGGGGGAGGAAAGGGCAGTA
TAAATTTGAATAGAAAGACATATTAAGGCAACCAGTAAACATCACAATACTACAGAAAAAGGGGTGG
GGGTAATAACAACCTTTTGATAACATTTACTATATAGCTCAGGTCGTCCAACGCAGCCCGATTAGATTATCTCGA
ACTAACTAATTACTCTTTACCATCAGCGGCACGGAGTGACCCTAGTTGAACCGGAGCTTGGGTACCAACAACC
TTTGATGATCGATAAACTGTCAGGTCAATGCCTTTAGACTTCTCTTTTCAATCTGCTCCTTGATCCACATGTAG
GTAATTCTCAATCCATCCTTCAACTTCATCGTGGGAGCCCAAGCTTCTCTCTAATGAGTGTGTTGTCTGAG
TTACGACCACGGACACCCTCAGGACCAGGGATGTGATGAATTGGAAGATTTTGTGTCGAAGCTAAGCACAA
TTTCTGCCATTTTCATTCATGCTAACCATCTCGTCGCTTCCAATATTTCACTGGCTCGCGGAAGTCCGACTTAGTCA
ATCTCAGGACACCTTCTACACATTCATCAATGAAAGTAAAGATCTTGTCTGAAGACCATCTCCCCACATCTCA
AACTTGCTACAGAAGTGAGGGCCTTCTGCAAAATGCAGCAGGAGCCTTTCCCTTCCACCTTTCCATGTTCC
AAATG

>trans_s_3436 AB359921|Solanum lycopersicum LeSSADH mRNA for succinic semialdehyde
dehydrogenase, complete cds

AGATGTGGATGTTGCAGTAAAAGGATCTATTGCAGCAAAGTTCCGAAATAGTGGACAGACTTGTGTTTGTGCC
AATAGAATTCTTGTTCAAGAAGGAATATACGAGAAATTTACAAATGCTTTCTCAAAGCGGTGCAAAATCTGC
AAGTTGGTGACGGGTTTGGTGAAGGTGTAGCTCAGGGTCCTTTAATTAATGAAGCTGCCGTGAGAAGGTTG
AGAAATTTCTTCAAGATGCCACCACAAAGGGAGCGGAAGTTCTTCTTGGTGGTAAAAGACACAGCCTTGGGA
TGACATTTTTTGAGCCTACAGTTGTTGCTGGCGTGAAAAGTGACATGCTTTTATCCAGGGAGGAAGTATTTGG
TCCCGTGGCGCCATTACTGCCATTCAAAACAGAAGAGGAAGCAATTGCTCTCGCTAACGACACCAATGCAAGA
TTAACTGCTTACATATTCACAAATAATATTCAACGTTCTGGGAGAGTGACTGAAGCTCTCGAATATGGAATGGT
CGGTGTTAATGAAGGCCTAATTTCTACAGAGGTGGCTCCATTTGGTGGCGTTAAACAGTCAGGCCTTGGAAGG
GAGGGGTCAAATATGGGATGGACGAGTATCTTGAGTTGAAATATGTTTGCTTGGGGAATATGGACCGCCAA

TGATGAGCAATACTGCAAGCAATGAACCCGTCGGCAGGAAATAATGGGCTTTGGCTTTTTCTCTCTGAGCC
CAGCAACCCATAAAAGTCAGATAAGCGAGGCCATAAGTCAAGTTCATTTCTGTTTTCTGTTCCCTATTTGTGT
AAACAGTCATGC

>trans_s_3437 AL161508|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 20

AGAGAAAGCCACTGCTGCATTCTTCACCACGCGTCTTCTCTCCCTCTTCCAAGTATTTCTTCTTCTTTCTTT
CTATTTTCTCCGACAATGAGATCAGAATCATAGTCATTTTTGTTCTTCTCTTTTCCCTTTTCTGGGTATTTCCCC
ATTCTTCGATCGGTTTGAGATTTTGGGTCTTCGAAAATCGGGTTTCTCAACTGGGGTTTTGAGATCGCAGTT
CAAAGATGGCGCCCTCGTTTGATTGGTGGGGAAAAGACACTCACAGAGGAACCCCTGTTGTTGTCAAGATGG
AGAATCCAAATTGGTCGATGGTTGAACTGGAAGGTCCGTCGGAGGATGATTTTCTCATCGCTGGTGAGTCACC
CACGAGTCGGGTGAGAGAGAAAGGGAGGGGAAAAACGCTAAGCAACTCACGTGGGTCTTCTCCTCAAGG
CACATAGAGCCGCCGTTGTTAACTTCCATTGGCTCTGCAATGGTGGACCTTGCCGCCGCCGTTAGACGCCG
TGTTGCTTCTGGACGGACTGATGAGGAGGACGCCGACAATGACGTCACTGTGCGAGGTAGAGAGAAAGAGA
ACCCGACTGTTAAACGAGATTCTATTCTGTATTAAGGTGTTTCTATGGCTGTGGTGCTTATGTTGTGTTTTG
AGATTGCGGCTTTCTTTAAGGGCTGGCATTTTGGTAGTCCAAAGCTTCAATTGGATTATCTCTGGGCATCGCCT
TGGGGTTTTAAAGGAGTTTTTGGTTGGATTACGCTCAGTGGGTATTGATTGAGTAGAATATTTAGCTCCTCC
CCTA

>trans_s_3438 NM_104658|Arabidopsis thaliana CW14 (CW14) mRNA, complete cds

GATTGCGTATGCGATTGCTCGACATCGCTCAGCTCCGTTTCCGATTGCCAAATCCACTGCACAAACTCCGAAAC
TCCACAACACAACACCTGCATTGCGATTTTCTTATCTTTCTCTCTCCGATCTGTCGATCTCTCTCACATACCGC
GCCCAGCAACCCCCGGCCACCGCATAATGGGACTCTGCGGCTCCAAGCCGGAAGGTTGCGTCCGAGGAAGA
CTGGTTCCATCGGGAAAGAGGAATCGGAGACGGAGAAGAAGAAGTATTAAGCGCCGAACTTCTTCTTTGAAG
CTTGATTCCACTTCTGCACCTAATCGCCCTCATTCTACTCCTACATGTGCAGCTAGAGGAAGTGTGGATGCGGC
ATGGTTTGATTCTACTTCCGTCCTTGACTCTGAATTCGATGACGAGTTTTATAGCGTTCGTGAAGATGAGGTTT
CCACAGAGGGTGAAAATGGTAAAGGAGGTGAGGCTGCTGAGTCAATAACTGCGGGATTCTTCCAAATACTT
GTTTGCCATATCTGGCTGCTGCTGGACCCTCAGTTGAAAAAAGGAGACAAACAAACCAAGGAGCCCCAAATCC
AAATCTAAGGAGAAAAGCGTCGTCAAAACTCTCATTTAAATTGAAGGAAGGACATAGTGATCCGACGATTTTT
TTCACCGAGGGCACCTTTACAAAACTAATAGCTGGCACTTCAGTCCCGCATTGTCCAATAGGGAAGAGAATG
CCCAATTGCTGGTCACCAATTGACCCCACTGTTTTTAAAGTTCGAGGGAAGAATTATTTAGAGATAAGAAGA
AAAGAGTTG

>trans_s_3439 NM_124028|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT5G46580) mRNA, complete cds

ATTCTGCAATTGCTTGATTGATATATGTCGAAACCAAAATCTTCGCGAGAGAGCTCATGAATTGCTCTACTTGG
GAAGTTTATATGGATTGTACCCAGGTCTACACAACAAACTGAGACCGAATGGTGCCTGGATGTTGATCTCT
ATCAGTAGGTGCAGCTCAAAGTCACTTGAAGAATGGATGATAACTCTATCAAAAATCGTACAACGAAAAGAA
GCATTACCTGAATTGTTATCAGCTCAAACCGGAGCAGGAAGTCAAGGTTTTCCCAAGGACTAGCCAATTCATT
TGCTTCTCATGTAGATAAACTTGCTGCTCCATTTCAACTGCGAGAAGATCGAGCTGGTTGGTTGTAGCCACAA
GGGAGGACTTAGTTACATGGGTGCATTCAAGAGTACCATCTGTGCCTGCCACAGCTTAACCAGCCATGGATGA
TGGAATTGGCTTCTTTTAGTCACCTTTCATCACTATTCACTACAATGTACGAGTTCGTTTCATGCAAAATATTGTA
CTTCCCAAAAGTATAGAATAGAGTTGTTTTACTTCATTGTTAGACTTTCTTCTGCTTGAATTTTGCTTGTAAT
GATATAATTTTAGAGAGACACAAAGCCTTCAATAGGCATACAAACAGAGAAAAGTGTAGAAAGGATAAAATTT
CCAATCTATAATCCGCAGTGGTGGAAATCCACCGTACAAGGGACTGCTCAATTCAGCAAGTAAAATTATACC

CCCACCAATTTACAAGCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_3440 AY074625|Arabidopsis thaliana At2g41950/T6D20.26 mRNA, complete cds

AGCTGCGAAGCAATAAGCGGAGCCGGAGAAACCTTAGGTTTCGTTTCCTCATCGACGAATTGTTTAACCGCACT
CTCTATTTGCCTCCGGAAATGTTTCTTTACCTTTGAGTTTCAATCAATCGAAGAGTTTTTGTGTTTCTTCTCGT
GTTTATGTAGCATTCACTGGACGAAGTTATTAATCTTAAGCAGATTGCCGCTGTGGCTTGCAATTCTTCATGA
ATTCTCTGTTCTTACATTCTTCTTGTTCATCACTTACTTGCAATCCTCGGTCGTTTCCTCTCAAGAGGCTGAG
GCCTATACATATATGTGCCCCACGTGGTTCATCATAATACTCGGATATTTGTCCTTCCATATCGTTTCCAGC
CTTACATATTAGTAAGTCAAGTCCCGTTCTTCAACTCCTTCAAATGAAGGTGTAGTATCTGTAGTCAATTTAGA
AGATTTAGTTGAAAAGGACTTTTCGTTTCTCGATTGAGATGATTTTAGTTCCGTAGAAGAGCATGATCGAAAAA
TTAGACGAATTATTTCTGCTGGAGAGATTGTAGAAAGTTCTCAGGTTATGGTTTCCATTTCTTCAGAAGGATTT
GTTGATCAGTTGTTTCAATTAGCTCCCTCCCGAAGTTTGCTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTT
ATTAAGAAAAATATGACAAAGTTAAGTGTGGCAAGGAGAAATTATATATGTACCAGAAAAATGGGGACCT
TTCGATGCTGTATTTCTTATTATCTCCNGGCCATGCCATTGCAACTCGACGCAATTTTGGAGCACTTTC

>trans_s_3441 BT014934|Arabidopsis thaliana At5g18540 gene, complete cds

AGAGAAGATCCATAGCCAATGGTGATGGAAGATCTTACCGAAGAAGAAAGACGTGCTCTACGAGGAAGCAA
GTTTCGCTCCTCTCCCATCGCAATCCAATTCTTCTCGATCTCACCAAGGTTGGCTCATCCAGGTGGACCATTGAA
AACCAACAAAGCCGCGGCTCTCGCTAAGTTTCTTACCGGAAATTGCACCAAGATCCTAATGCTTCTCTTCTAT
TAATCCCCAGATTTTGGACCTTGCTGTTGAAATGCCAAAGCCTCTGTTCAATCCAGTGGTACAAATATTCGGC
ATGTGGACACATTTGATGACCCTGAGGCTTCTTTGATGAAGGGGAATCTATGAATTCTGAGCCTAAAAACA
AAAGAAAAAGAACAAGAAGAAGAAAAATAAAAAATAAGAAGAACAAAAGGCAAAAGATTGTTGAGGACTCCG
AGTGTGGCGTTGGAAAAACCCAAACCCAAAAAGAAGTTGAGATTGTGAGCTGAAAGGAAAGGAAACAGAG
CTGGAGATAATCAGTTTTGAGAAGATTGGAGAATTAAGTTGAAAGGATGAACCTTTTTTGGAAAGCAAGGCAG
CTAGTAAGCCATACAGGGTTGCTGTTCTGATGTTTTGAACGAGAACTATAAAGTCTCACATTCACGAGTCTA
AAACAATTTGATTTCTCTAGTGAAAGAATGATGTTTAGCTTCTTACTCATGTTGCAACATTCTTTGTTTTGTT
GGCAAATAGCAACTTTCTTAATCCAATGACCTGAATTCGATTTTTCATATGAGAAATATTTCCATATGTACAA
AAAAAA

>trans_s_3442 XM_002885312|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 50S ribosomal protein L18 family,
mRNA

GTGGACGAATGACCTGAATTTGAACGATGGCCTTAACAGCAATAGCTTCTTCACTGCCATCTTGTTCTTCTGTG
TTCTCCTCCCAGGGGCCATCAACTCCATTACAGAAATCCTCGTCTCTATCGTGGGCATCTTCTTTCCGCATGTT
AACATATTCAGAGGCTCTCCTTTCGCCTCTTCCAATCCCCGTATGCCAAGGTTTTATTTATACAATCAGCTTGG
ACTAGAAGGTCTCGGGAGGAGGCTGCAAAGCGACCAACAAGAAATCATGGAAACAAAGAACAGATATGTA
CATGAGGCCATTTTCACTAAACGTTTTCTTTTGAAGAAATTTATCCATGCTAAGGTAATGCATAGAGGAACCA
GCAAAGTGATATCAGTGGCAACAACAAATGCAAAGGACCTTAGAAACAGTTTACCATCACTTACAGATCACAA
TGCATGTGCGAGTAATAGGGAAGCTTATTGCAGAGAGATCAAAGGAAGCAGATGTATATGCAATTTGTTATGA
GCCTAGAAAGGATGAAAAAATTGAAGGTAACTTGGCATTGTTATTGATACCATTAAGGAGAACGGGATCAT
GTTTGTACCTTGAATTTAAATCAGAGGTAGAAATAGCAAGACGAGAAACAACACTCATCTAAAGCCTCTTGTTGGC
AGTAGATGATTGTACTGTAAAAGCTGACTTCTCCTGTTTAGCTTGTTTGAAATATCCGAAGCTGTTGCCCTTA
CTAAAGCTCTTTTACTTGCTATGCCAAACACTACTTTATTTAATTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_3443 FJ362591|Vernicia fordii 60s ribosome protein L19 (RPL19B) mRNA, complete cds

CTCTTGGATTGCAGCAGCACGAAGGAGGTTTAGAGAAATGGTTTCGCTCAAGCTTCAGAAGCGGCTTGCCGCT
AGTGTCTCTCAAGTGCGGTAGAGGCAAGGTCTGGCTGGATCCTAATGAAGTCAATGAAATCTCTATGGCCAATT
CTCGCCAAAACATTAGGAAGTTGGTGAAAAGATGGATTCAATATCAGGAAGCCAACAAAGATTCACTCTCGTTC
TCGTGCTCGACGTATGAAGGAGGCTAAGAGGAAGGGACGTCCTCTGGATACGGTAAGCGTCGTGGTACCA
GAGAAGCTAGATTGCCACGAAGATCCTCTGGATGAGGAGGATGCGTGTCTGAGGAGATTACTCCGCAAGT
ATAGGGAGTCGAAAAAGATTGACAAACATATGTACCATGACATGTACATGAAGGTTAAGGGTAATGTTTTCA
AGAACAAACGTGTGCTGATGGAGAGCATCCACAAATCAAAGGCTGAGAAGGCTAGAGAAAAGACATTATCA
GATCAATTTGAGGCTAAGAGAGCAAAGAACAAGGCCAGCAGGGAAAGAAAGATTGCCAGAAGAGAAGAAC
GGTTGGCCCAGGGACCTGGTGAAAAACCAGCCGACGCTGCCCCAGTTGCTGCTTCTCAAGCTCCTCAGGTATC
AAAAAAAGCAAAGAAGTGAACCTCTGATCGTTCGTAGATCCTCAGTTACTGTACTGGTTTTGACCACTTTTGT
TTTTTTCTGTTTTGGACAATTTTCTGTATCAAAATTCAGACGAATAGATATCTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3444 AF053769|Malus x domestica homeodomain protein (Mdh1) mRNA, complete cds

AAACCCAAACCCAAATTATAATAAAACACAAAACAATGCCATTACAAATCCACAAAATCCAACCACCGCAGCC
GTGGAAGAAGTAGCAGCGGAGTTGCGGGCGGGGCATGACTACTCCGATTTGCATGATGTGTGGCGACACGG
AAGTAGTGGATCAGATCATCATCAACAACATTATGGGACCATGTCTGAGGATGTTACTGCGGCGGCTGACATG
AATCCTGGACCAACACTTATACGATTTGGGACCACGAACACGGCCACCGGTGACGTGTCCCTCACGTTAGGCC
TCCGCCATGCCGGAACACCTCCGCCGCCGCTGCCGTGGATAATCCTTCTTTCTCTACGTGACTTTGGTCAG
TCTTAAGGAAGAAATTAATTATTATTATTAATAAACTTTCCACATTATAAAATCAACCCTTTTTTCTTTTGGT
TTTTATAGAAAATTAATTAATGTATCATGGTTGAATGATCTCAATGTACGTATGTAGCTGCATTTTGTGAATTA
GGGCTTTCCAATTTGTGGGGTTGATTAAATTATTGTTAATTGTATAGTAGGGTTTTCTTTTCTTTCTTTTCTTA
AGTATCTTTTTTTTTTCCCTCTCTGATCTCTTTCTAGGGCTGGTAAAATGTGAGTGTAAATTTGTGGAATTGA
AATATGATTATTTTGATAATCATTTTTCTAAGTAAGAAAGAAAGTACTCTAAGATAAGGTATTATATGAATGTGT
CTGTCTATTACACTATCCTTTGAGCTCTATGAAATGCAATAGTATTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_3445 NM_102223|Arabidopsis thaliana DNA-binding protein-related (AT1G23750) mRNA, complete cds

ACAGCGCCACACACAAACCTAAATCCATCGAGAAAGAAGACAACCTTTCGGTCCATTTTCACGGATTCGGAT
TCAGCTTTTCGCATCAATGGCGACAGGGAAATCACCTACGCCGGCATCGCAGGAGCTGCAGCAGACCAATGCA
GCGGCTAGACCTGGCCTGAGGAAGCCAGTCTTTGTTAAGATCGAACAGCTCAAACCCGGTACCAATGGTCAC
ACACTCATCGTCAAGGTTGTTAGCTCCAATACCGTGTTGCAGAAGGGTCGATCCGTGTCTCAGCACCTTCGGC
AGACGCGGATCGCTGAGTGCCTTGTTGGCGACGAACTGGAACCATTTTGTTCACTGCGCGTAATGATCAAGT
TGATCAATTAACCTGGGACAATCATTTCTCGAAATGCAAAGATCGACATGTTCAAAGGGTCTATGAGG
CTAGCAGTTGATAAATGGGGCCGATTGAGATTGCCGATCCTGAAGATTTTGTGTCGTAAGGAAGACAATAATC
TATCTTTAGTCGAGTATGAACTTGTAATGTTGCAGAGGAATGAGAAGGTACTACTGAATGCCAACTTTAAGA
CAATGGGTTGAGATGGCTGGTCAGTGAGTTTCTGGTAATCTGCAGATGTGAATATATAACAACGCTATATTA
TAATTTTGTGTGGGTGAAGTATTTAAGCGAACAATCCCTTGATTTCTTAAAGCTCTATTCCGTCGGTTTGAC
TTACACAAAGCCATGTTTTGTCGGGGAAAGGTATAAATAGGTACTAGTTTGGGTACTTGTTATAACTCTGGAA
ATGTAATAGAGC

>trans_s_3446 NM_120506|Arabidopsis thaliana ELF6 (EARLY FLOWERING 6); transcription factor (ELF6) mRNA, complete cds

ATGTTACGACAACAGGTGCTGTTTCTTGTTTATTCTCTTCAATTTCCAACCTATTTTCCTTCTCTGTTCAAGTTTCA
TGGTCCCTTTATTTGCAGTAATTTCAAATCAAGAACCGTTTTTTTGTAATTTCAAATTTAGGGTTTCCATCAGCT
TGGCCAATCTAGTCGGTGTTTCATCATAATAGATTTACAAGCAGCGAGTTTTGTGTTCTTTTTCAAACCTATGGT
GGCCACTGATTTCTGTAGTTACAACCTCTGATTTCTTTGTCTAATGGGTAGTCTTGAAATACCCAAATGGCTCAA
AGGGTTGCCTTACGCGCCGGAGTTTCGGCCGACCGATACCGAATTTGCCGACCCAATTGCTTACATATCTAAA
ATTGAAAAGGAAGCTAGTGCTTTTGGGATTTGTAAGATTATTCCTCCATTTCTAAGCCTTCCAAGAAATATGT
CGTTAGTAATTTAAACAAGTCTCTTTGAGGTCCACTGAGTTAAGTCGTGACCTAAATGGTGCAAAGGAGGGA
GATGTTCTGGGCTGTTTTACGACTAGGCATCAGGAATTGGGTCAGAGTGTTAGGAAAACGAAAGGGGTTGTT
CATAATCCTCAGTTTGGAGTTCACAAACAAGTATGGCAAAGTGGGGAGATTTATACATTGGAGCAATTTGAGT
CTAAGTCGAAGTTTTTGTCTGAGTGTGTTAAGTGGGATTAAGGAGCCTTCTCCTTGTGCGTTGAATCTTTG
TTTTGGAAGGCAGCTAGTGATAAACCCATTTATGTGGAGTATGCAAATGATGTTCCCGGATCTGCTTTTTGAG
AA

>trans_s_3447 GU171620|Ipomoea batatas microsatellite Stv_lpb_331 sequence

ATTCTCTAACCATTCAATTTCTTCTCTCTACCTCTATCACCCATTTTTATGGCCTTCCTTCGGGACGTCTTCTGATTC
TTCTTCAATCGCTAACCCTCCATCTCTCTCTCTCTCTCTCACAAGACAGATCCCTTTCTCCCTTCACATTCTT
TTCCGATTCTATTCCGATCGTTCAGAGGATTATTTCTCCATTATTATTATTATTATTAGTCCTTTCCCTCGGC
GTCGTCTCCATGGGGAAGTTAGTCGAGATTCTTGACGCCGGTGCCAGGATTGTTGCCAGATTTCAATCCCATT
GCCCTCAGACTGGTCGGATGTACTACCATCCTCCCCTAAGTCCGACGACGGCCATCACTCTGAAGAGTTTCGC
CTCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGATGGCGATGCGGCGTCTCATCAGATTGTTGCTTGCGATGTTGCCGA
GCGTACTGCTGCCGCTTCTTAGTTGTACCGTTGAGAGTAATGAGTTCATTCTTTACTCTGTCTGATTGTGATA
TTGTTTGAATGGAGAAGTTCTGGAATGTTCTTGAGAGAAATTCCTCTCCGATCGTGATATAAAAAATTGGA
AAAATTAGTTTTGGATTTGTCTTTTCATTTTTTGAATATTTTTTATATGCTTATTGTTGATGACACGATTTCTG
TCGTTACGAGACGAGGACTGATCGTATTCTGATTCTTCGGATGAATGATTGACGAAATTCGAAATTGATGCTTT
TCAAATCTACCGATTTCTAGCTAAGTGTTCTTGCTATTGACTTATGAGTTGATTGTTAATGAATTA

>trans_s_3448 DQ224372|Glycine max ornithine aminotransferase mRNA, complete cds

CAAGAACAAGCAGAAAACTCACTCTTAGCTCTCGAGCTTTCTATAATGATAAATTCCTCTTTGCGGACTA
CTTAACACAATTTTTGGCTATGATATGGTGCTTCCAATGAACACTGGTGCTGAAGGTGTGGAACTGCTTTGA
AGTTGGCAAGGAAATGGGGTTACAAGAAGAAGAGAATTCCCAAAGATGAGGCTATTATTGTTTCATGTTGTG
GGTGCTTTTCATGGCCGAACGTTGGGTGTTATTTCCATGAGCTGTGACAAATGAAGCTACCCGTGAATTTGGTCC
CTTGTTGCCTGGACATCTTAAAGTTGATTTTGGTGATGCAGTTGCCCTTGAGAAAATCTTTACAGAGCACGGTG
ACCGAATAGCTGGGTTTTTTGTTTGAGCCTATTCAAGGAGAGGCAGGGGTTATTATTCCCCTGATGGTTACTT
GAAAGCTGTGAGAGATCTTGCACAAAATATAATATCTTAATGATTGCTGATGAAATACAATCTGGCTTAGCA
AGGTCAGGAAAATATTGGCTTGTGATTGGGAAAATGTCAGACCAGATTTAGTGATATTGGGAAAAGCATTG
GGAGGTGGCGTAATTCCTGTAAGTGCTGTCTTGCTGACAAAGAAGTAATGCTTTGTATCCAACCTGGAGAGC
ATGGGAGTACTTTTGGGGGAAATCCATCGGCAAGTGCAGTTGCTATTGCATCACTTGAAGTGATCAAAGATGA
GAGACTTGCTGAGAGGTCAGCTACATTAGGAGAGGAGCTCAGAAATCAGCTTATCAAGATTCAGGAAAAATT
CCCAACAATACAT

>trans_s_3449 NM_202581|Arabidopsis thaliana FLU (FLUORESCENT IN BLUE LIGHT); binding (FLU) mRNA, complete cds

ACAATAACATTACATTTATCCGAAGCAAATGGCGATGGCAATGCGTTGTTCTTGCTTTTTTCCCGCCTCAATTC
CCCGCGATCTCCTTCTCCCAACACTTATTCAGGGACCTCCATGTTTCCGGGAAAATACCTCATGTTGCACTTAA
TGTGGACAATTTTGTTAAATTTGTGGGGAAAGCGTCGTCAGACCACTTCAGATACAGAATGCTTTGCCCCGTTA
CAAAAAGTCAGGGAAATATTGAGACAAGATTTCCAGTTATGGCGTTTCTCTTGGCGAATGTTTTTACATTTTCC
GTACCATTGAAAGCTATGGCTGAAACATGCGAGGCTGAGAGTCCTGCTTTCGATATGCCAATACTTCTTGCTGT
CGCCCTTGTAAGGGGCCACTGTTGGAGGATTGCTTCTCGGCAAAGAAGGGGAGAATTGAAGCGGTAAATGA
ACAACCTCGCCAGATTAATGCTGCACTAAGAAGGCAAGCAAAGATTGAGTCATATGCTCCACCTTAAGTTAT
GCTCCTGTTGGTGAAGAATACTCGAGAATGAAGTTATTGTTGATCCGAGGAAGGAGGAGTTGATCTCTCGA
TTGAAGTCCGGAAAGAACTTTTTGAAGAAATCAAGATCCAGAAAAGGCATTTGTGGAGTTTAAGACTGCTCTTG
AGCTCGCTCAGGGTCTACAGGACCCAATTGAGGAAAAGAAGGCTGCTAGGGGTTTAGGGGCCTCACTGCAGA
GGCAGGGAAAGTACCGAGAAGCAATCAAATACCATTCAATGGTTTTGGCAATCTCTGAACGGGAAAGAAAAA
CATCAGGAA

>trans_s_3450 NM_118106|Arabidopsis thaliana lecithin:cholesterol acyltransferase family protein
/ LACT family protein (AT4G19860) mRNA, complete cds

AGGGAAATTTTAAAGAATGCTAACCTACCTCCTCAGGTCAAGTTTTACAATATATATGCAACTGGTCTTGAAAC
TCCACATACTGTTTGCTATGGAGATGCAGAAAATCCTGTCGCTGATTTACATAAACTGCGATACACTGAGCCCA
AGTATGTTTACGTTGATGGCGATGGGACAGTTCCGGTGGAATCGGCAATGGCTGATGGACTTGATGCAGTAG
CAAGGGTTGGCGTCCCTGGTGAGCACCAACGCGTTCTTAGAGACCACGTTTGTTCCGAAGCCTGAAGCATTG
GCTCAAAGCAGGCGATCCCAGCCCTTCTATGACCCACTGAACGACTACGTGATCTTGCCAACAGGTTTTGAG
ATTGAAAGTCATGTGGAGAAGGGTCTGGAAGTAGCAGCTTTGAAAGAGGAATGGGAGATCATCTCCAATGAC
CAAAATAAACCCAGACGAGTTGTGTAGTGGGAAGCCAATGGTCAGTTCGATAACATTATCTCAAATTGTCGGG
GACTGCCCATCCTCTAGGGCCGAGGCTTGCGCAACTGTTGTAGTTCATCCCCAGCAAGACGGTAAGCAACACG
TTGAGCTGAATGCTCTAAGCGTGTCGGTTGATGCATAAAATTAATTGTCATGTAATTGTGTTGCAATCAGCCTT
ACAAGGTGTGCAATTCATGAACGGTCTGTACAGTCATTTGTGTGATGAAAATTGTATATTTAAATTTAAATAAT
TTTTCTTCCTTATGTATATAGCAAATGAAATGTATCCGAATGATGGTTTCTCCAAGTGTTATAAATTTAATAAAT
TTAATAAT

>trans_s_3451 EU770572|Eucalyptus grandis iron-sulfur cluster scaffold protein ISA1 (ISA1) mRNA,
partial cds

GAAAACACTCGAAAGTTGTAGTTTGCGGAGGAGAAAATTGATCGATAGGCAAAAAGAGGTGAGAAAATGGC
AGCTTCTTCGTCTTCCTTTTTCGCCGCCGCTTCTCAGAAGGCCGACCAGCCGTTCCGCCGCAAATCTTACTCT
CACGGAGGCAGCCGCCGCTAGGATTCGACAACCTTCTCAACAGCGCCAACGTCCATTCTTCGTCTTGCGCTC
AAGGCGCGCGGTTGTAATGGTTTATCCTATACTCTCAACTACGCAGATGAGAAAGGGAAGTTTGATGAGCTG
GTTGAGGATCAAAATGTGAAAATACTGATCGATCCAAAGGCACTAATGCACGTAATAGGAACAAAGATGGAC
TTTGTGATGACAAATTAAGATCTGAGTTTATCTTTATCAATCCAAATTCCAAAGGTCAATGTGGCTGTGGGGA
GTCCTTTATGACAACAAGTAGTGCAGAAGCCAACAAAAAATGAGGCAGTTCGAGCAATGAGCGTTGTTTTAA
GAACTCAAAACTCACAGTTGCTGATTTGTTGTGATTTTGCTGGAATTACAAGCACAATGATCAAGAGAGTTCT
CTGACAACAACCTTTAAACATTTGTAAGAATATTTCTATATTGGCTGATTATATTCTTAGAAAGCCAGTTAAGAG
TTGTACTCTGCTAATTTTTTTTCTTTAAAAATATTTTGTATGTATATTACTGTAGATTAACTGGCTAATGAGTTA
TATATGAGAGCCTATAAGGTAATAAAATTCGCCACGACTTTCTTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_3452 NM_112222|Arabidopsis thaliana PRA8 (PRA8) mRNA, complete cds

ACGAAGCATTCCATCCGTCGGTCAGATTACAAACTTTCTCTCTCTCTCCGTCGTCTTCCCCAAATCTCTCTT
CATAATTGACGGAATATCCGCCGCCGCTTCGATGACCTCTACGGCACTATCCCCACCTCCACCGCTCCCGGAA
CCTCTCCGACCTCGACTTCGTCTCCCGCGGCAACAGCGTCTCAAAGCCGGCCTCGCCACTCGAGTTCCATGG
CGGCTCATGTTTCGATTTCCACTCCTTCACTCTCCCTTCAACTTTACGAAACTTTCTCTCGCATCAAAACCAACA
TCGTTTACTTCCGTATGAATTACGTCATTATTGTCTCTTGATTCTCTTCTTAGCCTCATCTGGCATCCGATCTC
CCTCATCGTCTTCACTGCCATGCTTGCCGTTTGGTTGTTCTCTATTTCTTCGTGATGAGCCTCTGATACTCTC
GGCCGTTTGATTAACGATCGACTGGTCATGGCTGTACTCTCGGTGTTCACTCTTGTGTTCTTGTCTTGACCAA
GCGACGCTCAATATTCTGTTGTCGCTTCTGATCGGTGCTGTGCTAGTGCTGATCCATGCCGCTCTGAGGAAGA
CGGATGATCTGTTCTTAGATGAAGGAGCTACTACAGTCTACACTTTGCGTTCGGATGCTCCTGGAACCTCAGTT
TCTCTATATTCATCGTAATGTTCAATTTGATTTCCATCTCCAATGAAGTTTAATGGTGTCTTTATTCATCAATTTT
TATTCGGTTTGATTTGTTCAATCAATCATCTGTTTACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3453 CP001575|*Micromonas* sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

ACTGCGCCGCTGACCTGCTCTTCCACAGCAGCGTTTGTTGAATCCTGATTGATTGTTCACTCCACCTTACCAAAT
ACTCATCCGATAAGGTCGCCGGTACACCTTCTCCTTCCCTCCCTCTCTCTCTCTCAATTCCCCGCTTCT
CAATTCAGCTCCGACGGTACATTAGGTTTCTCCTAATTTATGGCTTCAACAGTTCTTAATGCGCCTAATAGCGTT
CAAAGAATTAATGTTTGGATTGCGGCTCCTATGTTGGGCTAAACAGTTCGCCAAATTCAAATTTCTCTGCGT
CAGGACCTCGGCCAATGTGCGTTCTCCACGTCTTTTCGTCGTGAGAGCTTCCGAAGAGCATGACGCACATATG
AAGAAGCTCGGAAGAAGTGATGCGGAATGCGAAGCTGCTGTTGTGGCTGGCAACATTCCAGAAGCGCCTCCT
GTGCCGCCGAAACCAGCATCACCGGCTGGAACCTCTGTGGTTCCTTTGCTGCCTCTCAGTCGTCTCCACGTCTG
TAACCGGAGGTCTCCAGCAATGAGAGCATCGTTTCAGGAGACCAATCTGTACCTTCCAATTTTGTATATCCAC
TATTCATTCATGAAGGGGAGGAGGACACACCAATTGGAGCTATGCCTGGATGTTATAGGTTTGGATGGAGAC
ATGGACTTTTGAAGAGGTTTCCAAAGCTCGAGATGTTGGTGTCAATTCGTTGTGTTATTCCCTAAAGTTCCA
GATGCATTGAAGACTCCAACAGGGGACGAAGCTTACAATGATAATGGTTTAGTGCCTCGAACAATTCGATTGC
TC

>trans_s_3454 DQ001729|*Citrus sinensis* hypoxia-responsive family protein mRNA, complete cds

AATGTTTATTATTTGAGGCTTTGAGTTGAGCTGCGTGTTTTACTTTTGTCTCCCCGCCGCCGCCACAGAT
TTTCAAGCGTTTGGCAAATTCGACTTTCTTCTTTCATTTGACAATAAATACAAATCTCTCGCTGCTGTTTCTTC
GCCATTCTCACATTTTCCGAAACCTCCGTGTTTTCTCTCTCTCTTCTTCAATTTCTTACTCGATTTCTGTTCC
CGTCATCCATGGCTGAACCCAAGGGCAAACCTCGAATCTATTAGGGAAGGTTTCCGAGCACAAGCTTCGCAC
CGTCGGGTCTTTGTGGCTTAGCGGTATTGCGGGTCTATTGCGTACAATTGGTCTCAACCGAATATGAAGACC
AGCGTGAAGATCATCCACGCTAGGTTACACGCACAGGCTTTGACCTTAGCTGCTCTTGCTGGCGCTGCAGTCG
TTGAATATTATGAACACAAATCAGGAGCGAAGGCCGAGCGATACGCCAAGTTCCTTCCAATTGATAATTACTC
ACACAAGGAATAAGCTTTTTTTTTTATATTTTTTTTCTTCTCATTCTACCCTGGAGGGTAATAAAGTAGTTTC
ATTCTGAGGCTTAGAATTCCTACTGCTCCATTCTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTCTTTTCACTAAATTGGCA
AATATCAATATTTAGATGCTTGATTCATGAAAGAAATTTCTTTGTAAACATGGAGAGGTGAATACTCTTGAT
TATGAATGAAATGTTTGTTTATTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3455 DQ250799|*Daucus carota* isolate 493-A transposon DcMaster, partial sequence

ATTCCCCGAAGGAGTAGATACTGACAGAACGTGGCGTAAGGGCTCTACCTCTAAGCGGGCATGCGACACAA
ATGCGGAAGAGATAAAAGAATGTGACGAACCCGAATCAAACAAAATAAGGCGTAATGCCCCAACACTGGG
AGCGTACCTGTCACTACTGTGCCCCCTTCTCAGCCTCAGTCTTGTTGGTAGCAAAGACCCTACCCTGATGTGG
AGCACCTGCTCCCTGATTCTGCGCGTTCCCGTAAGTCTTAACGGGCATCTATCAGCTGTATGACCCTCTTGCCT

ACACTTAAAGCAAGTCCTAGCCCCAAATAAGCAACGGCCCAGATGGTGCTTTCCACAAGTGGTACACAACGGC
TTCCCTCTGGCAGGCTCCCCTGCCTCAAAAGGTTTCTGCTGGAAGCTGCGAACTCACCACCTGGTCTGAAATT
CCGCTGTGGCACTGGAACAGGCTGCTGCTCAGCCTTCTCTTGTCCCGACGTGCAACCTCTACCTGCGGCCT
TAGACGAGTTGGCCCTCTCCTGTAACTGAGATCCACTGCCAGGCGCAGTGCATCGGCATGAGTAGCGGGTCT
GAAAGCTCGGACCAAACCCTGAATGTCCAGTCTGAGGCCTCTAACAACTTGTGGCTCTGGCTGCCTCAGTC
GCTATCATCTCGGGAGCGAATCGGGATAACATGTNCAATTCCGCATCATACTGCTCCACTGTCATGTCACCCTG
CTCTAGGTTTCAGAACTCCTGCCGCTTGGCATCTCTCAAAGTGGCAGAGAAGAATTCGCATAGAACTCTCCT
TTGACTG

>trans_s_3456 NM_001057091 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0581600 (Os03g0581600)
mRNA, complete cds

TCTCAACAATGGCGTCCTCAGCCACTCGGCGCACATTATTTACTGTTCTTAGCCGAAGCCTCTCTTCATCTTCAT
CATCTTCTTCTCCCTCTTACTTCCATCTCCTATTTCTTCTCGCCTGCGATTTGCTTTTCTCTCCTCAACAGACAG
GTTCAAATAATCCCTAATTCATTCAATCTTCTATTCGATGCAAGGCTTCGGAATCCGAATCCTCTCCACTCAAC
GATCCTTCTCCTAATTCGAGCAAGCGACCTCCAAAAGAGTCGATACCCTACGATGGGTGCGATTACGAGCACT
GGCTGATAGTGCTGGAGTTTCTAATGACCCGAAACCATCGGAGGAAGAGATGGTTAATTCTTATGTCAAAC
TCTAGCCGCTGTCGTTGGAAGTGAGGAAGAGGCGAAGGAGAAAATATACTCAGTTTGTACCACCACGTATAC
TGGGTTTCGGTGCGTTGATTTGGAAGAGCTTTCTCGGAAAATGAAAGAATTGCCAGGTGTTGATGGGTTTTT
CCAGATTTCGATCAAGATGTTCCGAACAAAGATTACGGAGGTGATTTGTTTATTGATGGAAAGGCCATCCCAA
GACCGCAGTTTAGGCATAATGTTACGCAACAAAACAATCGTCGTTACGCCATGATAGACACTGAGAACTGT
GCAAGTTGATCTGGGAGCTGATTTAGAAATAGAACTGGAGTCGAGCATAGATTGATCCAATGCATCAACCACC
CTCCATACATGGTCGAAATAGAGCTCAAAGTGGTGGTGGAGATCTCTCGACAAATCCAGTCCAGTTTAATCA
AAG

>trans_s_3457 NM_117629 | *Arabidopsis thaliana* PUX5 (*Arabidopsis thaliana* serine/threonine
protein phosphatase 2A 55 kDa regulatory subunit B prime gamma); protein binding (PUX5) mRNA,
complete cds

AGCCATCATCATCGTCATCCTCATCACAGTAATCAGGTCCGAGGGAAACCACCGAAAACTCACCATGGAAAC
GGAAGCTCAACATGATGCAGCTGCCAATGCTGCTTCCATTAACCTTTTCATCGAGATCACTTCTCTCCAAAG
AGGAAGCCCTTTTCTTCTTAGAGAGCCACAATTGGGATCTCGACGCCGCCGTTTCCACCTTCTTGATAACCAT
GCCGCCGATGCCATCGACGCCACCGCCACCGCCACCACTACTGCCACTCGCCCACTTCCACCTCCTGATTGCC
TGAATTTGCTCCTTCAGAGTCGCCATCGCGTTCTCGTTCCCTTCCCACTGCTTCTCGTGCTCCTTATGAGCTC
CGTTCGAGAAGAAGTGGGGTGAATCGGAGAAGAAGGATGACAAAAGGGCTTCTGGTAATAGGACGCGTCG
CATCCGCACCCTCTCTGACCTAAACCGGCCGCGGAAGGGGACTCTGATAGCGACTCTGATGAGCTGCAAGA
GTACTACACTGGTGGTGAGAAGAGTGGCATGCTTGTGCAGGATCCTTCAAAGGCAATTCTGTCGATGCAATT
TTTGATCAAGCCAGACAATCAGCAGTCGTTGTACCTATTGAACCATCTTCAGCTTCGAGAAGCTTTACTGGCAC
TGCCAGATTGCTCTCTGGGGAGACAGTGCCCTCAATTCCTAGGCACCCAGAGGCTGTCACTCACACTGTCACTT
TCTGGAGGAATGGATTTTCTGTTGATGATGGTCCTTTAAAGAGATTGGATCTAGGTGAAAATGCACCTTTTATA
GAGA

>trans_s_3458 NM_129523 | *Arabidopsis thaliana* radical SAM domain-containing protein
(AT2G39670) mRNA, complete cds

GGGGAAAAAAGAAAAAGAGAACAGTTCTCACTCTGCTTCTCAACGATGATTGCCATTTCAACGGCCCTCATTC
ACCAAGTTTGCTCGCCGTCCGTGCGCGTGCATTACGCTCTCGCTGCGTGGCTGCCGTTCCCTCTCGGAACCTC

TCCACCTCCATATCCTCTCCGCTGAGCCCTCTCCTGAAGCTCCCAAAGTGCTCATTGGCTTGTCGGACCAGGA
GCTACAACAGCTCGCCCTCGACTTCGGTCAGGAGAAGTATAGAGGGAAGCTACTCCATCAGCTTATTTACAAG
AGGAAGGTCAAGGAAATTGAAGAATTTACCAATTTGCCACTGAAATTCAGGAATGATCTTCAAGAAGCTGGA
TGGAGAGTCGGCCGTTTCGCTGTTTACCAGTCTGTTACTGCAGCTGATGGGACCGTGAAGTTATTGCTTAAGT
TGGATGACAATAGGCTGATTGAAACAGTTGGCATACTGTGGAAGACAAAAACAATAAAGGTTTCAGTTCGTC
TCACTGCTTGATCTCATCACAGGTTGGCTGCCCTCTGCGCTGTTCTTTTGTGCCACTGGAAAAGGAGGATT
TCTAGGAATCTTCAGAGACATGAAATTGTTGAGCAGGTATTTGCAATTGAGGATATTTCAACCATAGGGTCA
CAAATGTAGTATTCATGGGAATGGGTGAACCAATGTAAATATGAAATCAGTGCTTGAAGCGCATCAATGCTT
GAACAAGGATGTTCAAATTGGACAAAGAATGATTACAATTTCTACTGTGGGCGTTCCTACACATTAAGGTT
GGCTTCTCA

>trans_s_3459 AY786441|Zea mays transposon defective Mx maize transposon dMx2, partial
sequence

CCTCTCCTCTTCGTCGACTCTTCTCACCTCTTCGTCTGCATACTCCGTCGGCATCTTCTCTTCGTCTGCATCGGC
GTCGGCATCAACTCTTCATCTTCATCTCTTCGCCACTCCATCGTATTCATCCTCCGATTACAGCTTCCTCAAGCTT
TCTCAAGCTTTCTTGTAACCTTCAAGATCTTCAGATTCTAAGAGGTGGCTCGTTATCTGGATGAGGCTCGTATA
GATTGTATGGACGATGAATATTTAGATTTGCTAACTTGGTGGAAGGTGAATTCCTCTCGATTAAAGATCATTAG
CCAAGTAGCTAGGGACATCTACAACCTTTCTATATCAACTGTGCCTTCTGAGTCTCCCTTTAGCACTGGAGGACG
GGTGTTAGATTTCTTTAGAAGTTCTTTAACTCCTCAAAGTGCAGAGGCACTCATTTGTGATCAGAATTGGATTC
AGTCTAAACATTTGGATGACATGACTGAAGAAATTGACGGGGCTGAAGAAATTGATGAAGAATTCATAAACA
TAGGAAAGGAGATGGAAGCTGCATTTAAGAATTTGAATAATGATGAAGGTGTGGGATACATTATCTGATGCT
GCAGTCTCTCGAAAGTCTGGAAGCTGCAGGAAGCCGATATCTTAAATAGTGAATTGACTGAGTTATATCAAAT
ATATTTGAGAAACATTTGGTTATGTTTCGTGTATTTAGTTTTGGGATCTTTTTTTTTTTTTTGACAATTAAGCTTT
GTCCTTACAATTTTTAAAAAGGGTGACTATAGGATCTCTCTATATTGGTATATCTTGTCACAACATGATTGG

>trans_s_3460 XM_002307583|Populus trichocarpa histone 2 (HTA905), mRNA

AAAGCTATTCTTCAATCCCAAATTCTCTTTCTCCCAAACCTCAATTTCACTCTTCTCTTCGCTTCTACCATCTTCA
GCTTGAAAAATGGCCGGGAAAGGTGGGAAAGGGCTTTTGGCTGCAAAGACTCCTGCAGCGAACAAGATAA
GGATAAGGACAAGAAGAAGCCCATCTCTCGATCCTCCGCGCTGGTATACAGTTTCCTGTAGGACGAATTCAC
AGGCATCTCAAAACAAGAATATCTGCAAATGGGCGAGTTGGTGCGACTGCTGCAGTGACCTAGCATCAATTC
TGGAATATCTGACCGCTGAAGTGCTTGAGTTGGCTGGAATGCGAGCAAGGATCTGAAAGTGAAGAGAATCA
CTCCAAGACATCTTCAGCTTGCCATTAGAGGAGATGAAGAACTTGATACCCTGATCAAAGGAACCATTTGCTGG
AGGTGGTGTGATTCTCATATTCACAAATCCCTCATTAACAAAGCCTCCAAGGATTGAGACATTCACATGTATC
TTTAACTAGTGTTTAGCTTAATCTAATGACTTCTAAGACTGTAGATGAACACATTTACTTCGCATCCAAGAATTA
GGTCTCTGTTTGCGTTTGTGAAGCTTTGCTACTTCTCTCATACCCCATCTCTTTGTGTATTTGGTTGGACAA
GTATCTTTGTTTCAGTGTAAGATTGTTATCTTTGTTGTATGTTTTTAATTTAGATTACTTTCTACAAGTTTGTGG
ATGGGTCATTCTGAATCTGGTTATTGCTCTTCCCCTTTTCGACAAAAA

>trans_s_3461 NM_104299|Arabidopsis thaliana ATG12A (AUTOPHAGY 12 A); protein binding
(ATG12A) mRNA, complete cds

ATAGTTGACAATGAACTAAAAATTTGGGGCTTTTGGCATTGCAAAGCCCAAACCTCAGGCCACGAACAATACGG
AATTGCCCAACCAATATCTTTTGATCGAAATCGGAGAACGTACCCACGAATTCTGCAGTCCACGGCCAAGGA
AAACGATGACTTCTACAGAGTCGTCCACTTCTGCTCGAAAAGTGGTTGCTCTGTTGAGAGCAACTGGGGATGC
TCCCATTCTCAAACAACTAAGTTTAAGATGCCTGGCACAGACAAATTTATTAAGTTATTGATTATATACGCC

GGTCCATTCAACGGGACACCTTGTTTGTATTTGTCAACAGTGCATTCTCACCGGGTCCAGATGAGACAGTTATT
GATCTATATAATAACTTTGGAATTGATGGGAAGTTGGTGGTAAATTATGCCTGCTCCATGGCTTGGGGCTAAT
TTGCAGCATGGTAATGCTGAGTGCTGAGGCTGTAAATAGTATCTTGAACAGTTCATTCTAAGTACTGTGATTTT
AAACTCACCCATTACGAACTATAGTGGTAGTAATCCTTCATATTATTGGCTGCTTCCCCAATGAAAAACGAAT
CAGTCAAGTTCTAGAGTCATACTTGTCAAGGTCCAGAGTTTGTAAATTAAGTGTATTTGATCGACGTCTTTAA
TTAATTGTTTTAAGGTTGAATATGTTAACACAAGGATGTATTGTTCCAAGATATGGAAGCTCAAATCTTGATT
ACCCTACTCAGTTTCATATTTTTCTTTTACAACGTAACAGTTGTTGAGACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_3462 AJ437537|Oryza sativa partial mRNA for polyubiquitin-like protein (ub1 gene)

ATTGTACAGACAATTTCTTCAAACCCTAAACATGGGGAAGATTTCTATCTCGAAGCTTAGAGCTGCAAAACC
ATCGACAATGTCTAAGCCAAAATTCAATCCATTACAAAGAAGGTTTCGTTTAATATTCATTTTGGGGATTGAAA
ATTGGAAATGAAATGTTAGCCATAAACAGGAATTCATCGGAATCCGAAGCCAGTGATTTTCGCTGGAAAGCA
GCTTCAAGATGGCCGAACGCTATTGAATATTTACATTCAAAGAGATGTTATGCTGAGGGCTAGGAATTTGAGA
AAGGTAAGGTGCGATCCTATCAGTTTGAGGAAGATCTGTAGATTGAAGTATTGTTGCATATAAGATGATTCTT
GTTTCTCACCAAATACATCATCAAAGAGCTATCTATCTCACAAGAGTGAGAATGTCTACTAAGTTTAGTGTA
ATTTCAACACTTTAATCTGCACATAGTAATCTAAAAAGTATTAAGGTGCTCTATTTGAAAACGTGCCTTGAGTA
TTAAGGACAGTATATTTGTATATTCGTCCACATAAAATCTCATGGGAATGAAATTGCTTAGTGTCAAAAGTAA
CCAACAAATGCAACAAAATGTCATAGAATTTGAGGACACAGGTTTACACCTTCCAAAACAAGAATTTTTTTAA
GACATGGTGAAAGAAGAAAGTAAGAGGTGTATGAAGACCAAATGAGCGTAATTAGATTATTCCATTTTGT
ATTTGAAACTTGTTGGAAAAATATGAAAAGGATTACAAAACCTTTATTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_3463 NM_125960|Arabidopsis thaliana peptidase M3 family protein / thimet
oligopeptidase family protein (AT5G65620) mRNA, complete cds

TCAAAAAAGATAAATCCCTTCCCTCATAGTTGNAGGAGACTGTGATGGTACGCAAACCTCTCATGACGTAGC
AAACTGTAGCGTTAACAAAAATAATAGTAATAACAATAAACAAAAACTATGAACACAATAATCATTGTGAAT
TGACAAGGTACAAAAAGATTGAAATACCCACATTCCACTATGCGTTTTCGAGCATCATCGAGTGTGTTCCACTT
GGAAGATTCGCGAATAGCTTTAAAGCATTGTAAATAGGTTTGCTTTGCCCAACCTAAGCTGAAATTTTACTT
TCTCCGGCTGAACCTTCTCGATCGCAATCCGAAGATCAGCAGTATCCTTAACAGACTTGAGATGGCTGACGAT
ACCCCAAACACAGTCAAACGGTCAACAATCTTCTCTAATGGCTCAACCAATTTTGACCAAGATGGCTCGACTG
TACGCTCCAATTCCTCAAATCACCTCAAGCTTCTTCAAAGCGCAAGAATGCCAGGGCGGACGTGGTTAGC
TTCCACAGCATCGAAAGGCGGAAAAATAAAATCTTGAGCAGAGGATTCGATTGGGAAATTTGATCGATGTC
GCCAAAAGCAGCCATTGTGCGAGCAGAATGCGAAGAACAGGAAGAAAAATAGTGACGGAAGAAGAGGTA
ACAGATTTGCGACGGTTGTGAAGGCAGAAAGAGAAGGAAGATGACCAGAGGGGACAAGGAAATGATTTTGG
TAATTGATAAGGAGAAGAGATGGAAATGGAGAGCGAGTGTGTTCTTCTAACAAGAAGTGATGGATGGAGG
CGGTGAGTGTAATT

>trans_s_3464 AY336743|Brassica rapa subsp. pekinensis calreticulin 3 mRNA, partial cds

ACCTCAGAATTTGTTTGTATTGACTTCCTTGACTCGCTTCACTAATGGAGGAGTTTACTCCTAATACCAATCTCC
ACTTCTTCCTTCGATCAAGCTTTTCTTCACTTCTACTCATCAATTCATCTTCACTTTCCACACTGCTCTCTCT
GAAATTTTCTTGAAGAGCGATTGGAAGATGGATGGAAGAGCCGTTGGGTCTTATCTGACTGGAAAAGAAGT
GAAGGGAAAGCAGGGACTTTTAAGCACACCGCCGAAAAATGGGCTGGAGATCCAGATGACAAAGGCATTCA
GACTTACAATGATGCTAAGCATTTTGCCATATCTGCAAAGATACCGGAGTTCTCCAACGAGAACAGAACTCTA

GTGGTCCAGTATTCTATCAAATTCGAACAGAAGATTGAATGCGGTGGCGGGTACCTTAAGCTTCATTCTGGTT
ATGTCAATCAGAAGAAATATGGTGGCGATACCCCTTACAGTATGATGTTTGGGCCAGATTTATGTGGTACACA
GACGAAAAAACTCCATGCGATCCTTTCTTTCCAGGGGCAGAATTATCCCATAAAGAAGGATTTGCAATGTGAA
ACAGACAAGTTAACTCATTCTACACATTCACTTCTAGGCCCGATGCTAGTTACAGTATACTTGTGATAATCGA
GAAAGAGATTCTGGAAGCATGTACAGTGATTGGGACATCCTGCCACCTAGGAAAATCAAAGATGTTAAGGCG
AAAAAGCCTGCTGACTGGGATGACAGAGAATACATTGAAGATCCTAATGATGTTAAACCAGAGGGATATGAT
TCAATC

>trans_s_3465 FJ664260|Annona cherimola pectinesterase (PE) mRNA, complete cds

GAAAACAGGGCTGAAATTTTCCAGGCCATAATAATTTATAAACAAGTTAGCATCACAGCAGAATATTCCTCTCC
TTTCTCTTGCTACTGCATAATTCTTTGTTAATTGTAGCAACATTAAACAGAGGAAGAAAGAAAAATACAAGATG
AAGAAAACCCCGATAAACGTGCTAAGAAAAATACTGGAGACGGGTGCAAATGGGATTTTTGCAAACCCAGAG
CTCAACTGAAAGAATGTGTTGTGCATCATGACGGCAATTATTTATGGAGAAGCTGTGCTTTTGCCATCAGCCTT
CCCACACAGGAGAGCATTATCTGGAACATTGTACTCATCCCTGAAGGACTTAACTGGTGTGTAACTCTAAGA
TAAAATTGTTGCCCAAGGTATTGTCTTGCCCAAACTCTGACCTTATGTACCACATTCCAACATTGTCAAGTGAC
ATATAAATGGCAGTCCATGACTTTGGGTATACCTGAGTGGTACACCGCGAACTGCATCTCGGAGATTGTATT
GTTCTCTGCTAGCGGGTGTCCAACTCCTCCATCCATTCCAACAACCCAGAAGGAGTAACCATCAATATGCCAA
CTCTGTACGATGTTCTCGTGGTTCTGGAAAACAATCTCAATAAAGGCTCTATAGTCAGCACCCATGACTGAGGT
ATCAAGGAACATTGTCTTCCAGAAGGAAAATCCGGGATACTTCCAATGCGAAAACTCCATCAATACTGAAG
TAATCTGCAAGCTTAAGAGGTGTGTGTCAGCAGGAATGAAAGACACACTGTTAACAGCATATCTCTGCTTGCGAT
TGA

>trans_s_3466 FJ546462|Ribes nigrum GDP-D-mannose-3',5'-epimerase mRNA, complete cds

CCAGACCATAAGCATCTTGAGGCTCAGCAGGCCAGGCATCTGACTCCTTCAAGCTCACATTAGTTTCCAATTGC
TTAAATTCAAGGATAGATGCAAGCACTAGAAGCATAGAAAAACCTCTTAACCCATTGATTCTTGACAGCTTCAAG
CATATTGAAGCTGATCATGGTGTGTTATACATAATAACTGAGTGGTTGGACTGGATGAAGCCCATACACCC
ATATCAGCAGCCAGATTGAAGACATGGTCAACTTTCTCAGTCACCTTCAAACAATTATCCATCACTCTGAGATC
AACAAGATGAAATTCATGGCAAAACATATCCTCTGTCATGTGTTCACTTCTTCCAGTCAGAAGCAATGATGT
AGTGCCCTTCGCTCTTCAAACGCCTGGCAATGTGAGAAGCAATAAACCCACCAGCTCCAGTAATGGAGATTCT
CAGTTTCTCCGATGGCCAATAAGCCTCTCTTCAAGCTCCTGATAAGTGTACGACCCATAAGTGGTTTCCCCTG
CGCTCCCCATTCCAATAAAGATAACAAGAAATTAAGAACAACCCAGTAATTCAAACCCTAAATCTGAAGGGAA
AACACCCAAAAAGTTCCCAAACTCAAAGAAGAAAATCTAAAAATGAAGAAAAGAAGGCAGAGGAAACC
CACAAAATGGAATTGGGAATTTGGGTGTTTTATCACCAAAAAGAAAAAGAAAGGCAGAAATTGACGGTTG
AAAGAGGTACAACAAGGGAAGAAGATGAAATGGGTTGAGATGAATGGTGATAAGAGGAAAAGGGTCAAT
AGAATGGCGT

>trans_s_3467 AY105296|Zea mays PCO103628 mRNA sequence

AAGAAATCGTGAGAGAGAAGAAAAATATATATTATAGATATCATAGATCGTCCCCTTCAACTGTAATCAAAA
TTCACCCAGCCGAGCTCACCTACATTCAACATTGTAGCCAGTCGCTGTTTCATCCTAAAATTCATCGCTTTTTT
GTAGGAGCATGTCGGACGCTTACTGGAGATATACCGACTCACAGCAGCAGCCTCCGTCGTCGGTTCCGCCCGT
CGTCGGCAAGCGCCCTCGCGTCGATTACGATACCACTGGTCTTCACGAGCTGCCAACTACTATCCACGTCAA
GATGATAGGCCAGTTCTCCAAGGAATTAAGAGTGTGATTCCATCAATGAGTCCTATGAACGTTACCTACGCA
CCTCGCAAATTTATCTTATGGTGGACAGTCTGCTAGACCTGTTGGTGGGGCGTTCCTGGTCATCTGATGAAT
GACCCACCTATCTTGGGCATTGGGGGTGTGGTTTCAGGGGCAAATGTTAATGACAGAAGTACGAGCTTTGGA

GGTGGGAGGCCTAACATACCCCTTCCACCTGATGCTTCTAATACACTATTTGTGGAAGGCTTGCCTTCCAGCTG
TACCAGGCGTGAAGTAGCTCACATATTTGCCCCTTTTGGTGGCTACAAAGAAGTAAGACTTGTTAACAAGGAA
TCCAGAAGTGCTGGAAGAGATCCAGTGGTGGTGGTTTTGTAGATTTTGTGAGTCCTGCCCATGCAGCCACGG
CCATGGATGCCTTACAAGGTTATAAATTCGATGAATTTGACCGTGAAGTCAATTTAAGGTTGCAATTTGCT
CGCTT

>trans_s_3468 NM_001073118|Oryza sativa Japonica Group Os12g0285600 (Os12g0285600)
mRNA, complete cds

AAGGAACAATCTATCATAGACCGAAATCCACATCAGGTCCATGGATTTGTGCAAGACAATAGAACAGGAGAA
AAGGTGGCACTTTTGGTGGGAAAGTGGGATGAGGCAATGTACTACGTGTTAGGAGACCCACCACAAAGCCT
AAGGGATACGATCCAATGACAGAAGCTGTATTGCTATGGGAAAGAAACAGATCTGTAGCTAAAACAAGATAT
AACCTCTCTCCTTTGCCATATCCTTGAATGAAGTCAACACAGGTTTAAATGGAGATACTGCCTCCAAGTACTCA
AGGCTTAGACCAGATCAAAGACATCTTGAAAATGGAGAATATGAGTTGGCAAATGCAGAGAAGTTAAGACTT
GAACAGTTGCAGAGACAGGCTCGAAAGTTGCAGGAAAGAGGATGGCAACCTAGATGGTTTCAGAAGGATGA
AGATGGGTGTTACCGTTATATAGGGGGTTATTGGGAAGCTAGAGACAAACATAATTGGGAGGAAATTCCTGA
TATATTTGGCCAACCCACAACAGATCATCTCTCCCATGTTTCAGGAGAAGAGTAAAGTCTACCTTGCTCCATC
CTACATTGTTTTTAGTTAACTCTTCCCCCTTCCCCTCTTCTGTTTTTTTTTTGTTCCCATGATCTAAGTGGGAATT
TTTGCTGTAGGTATTAGCTTAGCTTTCTCTCAAATTGTAGTATTAGCAGTAGTAATAGAAAGTCAAAATATTCA
ATACTGTATTTGGTTGGGTGTTGGGAAAGAAAAGAAAACCATAAATCCATTGGGATTGGGGCTGCAAATA
TTGGTCAT

>trans_s_3469 Novel Gene

ATCTCAGCAAGGGAGGGAGAAATGTGTCCCTGGATCATATGGAACCTGAAACTCCAATGGATGTCAAGCCTG
TAATCATGGAGGGAGAATTTTCAGGCATCCAGGATGAACATGGAACCTCCAGAGGATCCTAGTAAAACCATGA
CTGAAGGCTCCAGTAATCCTTCCATCGACCTGGATGAAGAAGACATAAATGAAACCACTGGAGACCTTACAAA
TTCGTTGCCCATGCGAATTGTCAATCATTATCAAAACGATGATGAGCAGGAACCTCTTGTTGAACTTGCTAATC
CTTCGGATACCGATATAGACATCCCCACTAATTTGATTAGAAAGATGTCAAAACAATTACTATCAACAATGGA
GTGGCAGTTAGGACTTGATAATTACAAAAAATGTCCATGACATAAGATTCAAGTGTGCACAGTGGTCATCTT
TTACCGGGACGTCGCATGCTGGTCTCAGCTGACGTTAGAAGTCTAACGATGTTGATATTGCAGCTCAAACT
GTTTGTATTCACTGTCAAGTCAAGTTGTTAGGGGATACAGGTTGAGTTCTTCCATCAGTGTATGATCTGAGTGA
TTCATTTGGTAGGGTACTCTTGATTCAATTTTATTGGAAGGTCTGCTTCCATAATTTATCTGTCATAATGATGA
AGGGATCAAATGCTTGTGGTGTGTTGATCTTAAGATAGACCTTTTGTGTTGCTTCAATTGACAGTATTATATAC
AATGACCTGAGCAGTTGCTAATAGAATAAATTTGCACATTACGAATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_3470 FJ410449|Betula luminifera caffeoyl-CoA O-methyltransferase (CCoAOMT) mRNA,
complete cds

ATGAAGGACAGTTTTTAAACATGTTGTTGAAGTTAATAAATGCCAACAAGACGATGGACATTGGAGTTTATAC
TGGGTATTCGCTTCTGGCTACAGCCCTAGCTCTTCTGAAGATGGAACGATTCTGGCTATGGATATTAATAGA
GAAAATTATGAGTTGGGTTTGCCGGTGATTGAAAAGGCCGGCGTTGCTCATAAAATCGAGTTCAAAGAAGGA
CCTGCTCTCCAGTTCTTGACCACATGGTTGCCGATAAGAAGAATCATGGAAGTTATGACTTCATATTTGTGGA
TGCTGATAAAGACAACACTACATAAATTACCATAAAAGATTGATCGATCTACTTAAAGTTGGAGGAGTGATCGGA
TATGACAACACTCTATGGAACGGATCAGTGGTTGCTCCACCTGATGCACCCATGCGCAAGTATGTTAGGTATT
ACAGGGACTTTGTGTTGGAGCTCAACAAAGCTCTTGCTGCTGACCCTAGGATTGAGATTTGTATGCTCCCCGTT

GGTGATGGAATCACTCTTTGCCGTCAAATCAGCTAAACATCCTAATATTCCTCGCACTCCTACATACACGATCA
CTCTTCTTCATTGTTTGTAAGGAAGGATCTCGCTTGAATTTGACCCTTCTTTTTCACGATTCGATCTTTCGTTTT
CTTTTCTAATATCAATCAATTCCTTTTGGAAAGTTTTCTATGCAATTCAAATTGAACATTTTAATGAATAATATT
GTTTTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_3471 NM_001185638|Oryza sativa Japonica Group Os01g0748200 (Os01g0748200)
mRNA, complete cds

CGTGTGTGAGCTTTTCTTTTCTTTTCTACTTTAGCGGTTGGAGAAGGAGAGTTTTTTATACTCGCAGCTGA
GTTCAAACCTTCAGATTATCTTTTGAATTGATAACCGTTTGGCCCTTTTACATCTTTAAGAGACTTGGAAGAG
TGTGGCTTTTCAGGTAGGCCAGTTGGAGAAGTTGAGTAGGTGAATTGGGGACCTCGGGATGCATAGTAGAGG
TATGGTGAAGCATGGAACAAATCAAAGGCGTGGTACAGACAGCAGACAATCTCGGTTCTCATTGTGTCTGCT
TTTCTTATCCTTTTGTGTTGATGATGTTATTTGCAAGGAGTCTCAAGAGCGTGATATTTAGTTGAGGTGACT
CCGAAGCAGAAGTGGGATAGCTTTAACTCTCTTGTCATTTAATCCAAATAGAGAGTTTCGCAATGGAAGT
ATATAATATCGCAAATCCCGATTCTCAAAGTCTGTTTTGTTTTTGTCTCATGGCTGCAATGCTAAAGCTGTCA
ACTTTTGGGACAGATCTCCTGAGTGTCTTCTGTGTCGGTCTGCCTGAACAACGGTTGATTGTCCTTCATGCTC
TCAGCAAACGTTTTGCAGTTCTTACAATATCAAGTTCTCAGAAATGTTGGACATTGGGGGAGGAATTGGCAGT
TGTTAAAGACATAATACGTTGGTGGGTTGGAAAGAACAACCTTGAGAACTTCCTCTTGTTGGTTTAGGTGCC
TCCTCTGGTGGGTATTTCTTTCTAGTACTTGCCACTAAGTTGAAATTTGATAGCATTACTTTGATGATTGCTG

>trans_s_3472 AB020611|Vigna radiata cBng110-1 mRNA for PBng110, complete cds

TGCTAATATTTGTTCCCTGTACCTGGTGGTCAATGTGTCTTACGGGGCTGAAGTTTCGAGAGAGTTGACTCCT
CTTTGGATTTTGGGGCCGTTACTGACTGCTTTATACGTCACAACTGTTTCAATGGATTTGTGCGCTCTATGTCTT
CAGCTTTAAGCAGACGGCTAACTAATAATGAACTCCCCCTTTACTACTGGACAGTGCATCACTATATCATAC
AAGGGAACTTAAAGAACAGTTTCGTAACCTCGTTTTGTGCAACCTATAATCAACATTAAGAATCTAGACTACAA
AGAACTATCAAAAAGAAAGCTGATACAGTTAAGAGAGCGCGCTATGGAGAAATACCTTGACTATGTGGAATC
AACTTGCCATACTACTGCAGAGCAATCAGGTTCTTAAAGAGAGCTAATCTGCTTTAGACTACTGATTGTATTT
TGAGGCAAATCTTGACCAAGAACAAGGCTAGATCCCGTTTCTTCTCCCGTTATCTAACATGCATGATTTGTC
GTTAAAGCAGGGCTGGCCGACCACTTTAATGTGGGATTCTTGGTGTTAATGAGTTGATGAAGGATCAGAAC
AACTTGAGTTTTCCGATTTTTGTTAATGTTGTGATGAGGATGTAATTTTCGTAACCCTTCGTGTCCTTTTAATTG
GAAGAGGTCCCACATTCATTTGCATTTTTCTTGTTATCATGATGTATGTGTAAGCATTATCAACTTGAATGTTAG
CAATCAGTTATTTGATATATTGTTTTGCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3473 NM_001063524|Oryza sativa Japonica Group Os06g0183900 (Os06g0183900)
mRNA, complete cds

AGAGACAAACACACCTAACTCTTCTCTCGACCACGCATCACAGAGAAGACCACCACGTTGGCCGCGCATCA
TCTTCTCGTCGTACATCGGCTCCAGCTCCCTTCACCGTCATGACTCCACCTGTGACCAAGCACCTACCAACGTGA
CTTCGCCCCTGACCACTGGAGGACTACCGCAAACCTCCGGCCAAAACCCAGAGGACCTGAAGTTCTCTCTTCT
CACTGAAACACTCGCCTTAAGGGTTGCATCATTGTCTTTCTACTTTACCCTCAATGGGAAACCCCTTCTCGGTT
CACTACGTTTTCTTATTCTCTCTTTTTTACCTTAATCTTAAGAACCAGGGTCCTTAGAGGTGGTGGCGATGG
CGGTGCAACAGGGGCTGAGTCGCATGACTGCTACCTTAGTATGTACGCAGAGAAGAAACCCGTTAAGGCCGA
CCCTGACGAGCAGAGGTTGTCCAAGTGGGTGAATTGTGCACTTTCTAACGAGCCTTTGAGGTAACCTTGTGTG
ATTGATTGGCTTGGAATGTTTTCAATAAGGAATTGCTTGTTCTGGCTTTGTTTCAATATTCACCTCATCTAGGA
AGTCAGACTTCAAGGAAACATTTTCTGTAGATTTCTCCACTCGGTGCAAACTGATTGGTGGTAAGAACTGCT

TAGATGGGTTTGTGGCAATTCTTCTATTATTGTTTGTATTGGAACCTTCATTTTCAGCGACCTTCTGTGCTTATTG
ATTTATGTCTCATAGTTTCTAATTAATGTAAGAATGTAGTTTACACTTTACAGTCACCAACTGATNGTAC

>trans_s_3474 NM_100365|Arabidopsis thaliana PRMT10; [myelin basic protein]-arginine N-
methyltransferase/ histone-arginine N-methyltransferase/ methyltransferase/ protein-> (PRMT10)
mRNA, complete cds

ATTGGGACAGCAGCCGTTATAAAGGACATTGATTGTTTGACTGCTACTGTCGATGAGATTCTTGAAGTGAAAT
CAAGCTTTTTGTCATCAATCAACTCAGAGAACACACGATTTTGTGGATATGGTGGATGGTTTGATGTCCATTTT
CGAGGAAGAAACGAGGATCCAGCTCAATTAGAGATTGAGCTGACAACTGCTCCCAGCGTTAGTAATGGCACA
CACTGGGGACAACAGGTCTTCTCTTGCATCCTCCCATTTGGGTGAGTGAAGGAGATGAATTGAAGGTTTCTT
TCTTTATGAAGCGCTCCAAAGAAAATCATCGGCTAATGGAGGTTGAGTTTGGCTGTGAAATCAACCAACCTTC
TGGCAAGCTGCATCAACAACCATTCACAAATAAGTTTTACATTGAGTGAAGATGAAATAGTTACAGAAGAATA
TACATACAAGTAGTAGATGAGGTGTGCAAGCTGCCGACTGCTTTTTTGAGAGAGGGTGGAAGTAAAGAAAAG
GAAGCAGCACCTGAATTTTGAATCTGATCGGATTACTAACGACTCCGACACGACTTCTACTTTGGATAACTAG
TATTGTACTTTGCTGTTGTAATAAGACTTGATCATTTGCACTCTTGATGTGTAAAACATTTTTATACACAAGGCA
TTGATGTTCTGTTAATGGGGGAATATAAAGATAGAAGGGTAACTGTTGTCCAATTCTTTGATGAAAATTAGT
GTAATTTTGAATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_3475 NM_001068780|Oryza sativa Japonica Group Os08g0517700 (Os08g0517700)
mRNA, complete cds

ACACACCTTTTCCCCCTTTTCTCCCTATTTCCATTCCCTTCCCTCCAACCTTCAACACTTCCTCTCTCTCTCCG
GCTCCGGCTCCGGCGACTCCTCCTTCCACACGTCGATCCCCGATTTCACTTATGGGTGCGGGAGAGGACAC
GGAAAGGGCGGTGAGAAGAATTACTTTGACTAAACCGGTTTCGTTGGAGGCAGGGTCAGATGCGGCCGAGT
ATAAAGCTCCTAACCTACTCAGTCGCATCCTAAGCCTCTTTAAAGATGTACGGCCAGGATCTGATCTATCTCAC
TTCAAGGTACCCCCACAGTTCAACATGCCAAAATCACAACCTCAATGTTATGGTGAATCTGTGTATTGCTTCAA
TGAAGACATGTTAAGGAAGTGAACAATGGGAAGAACCAATAGACAGATTTGTGGCTGTTGTAGCATGGAA
CATTTCTACTCTTCGTCCTTTAACTTTTGGTATTTCTCCTTTCAACCAATTCTTGGAGAGACCCATCATGCTTCA
GCAGGCTCCCTAAATGTTCTACTTGAGCAGGTTTACATCATCCACCAGTGAGTGCCCTCCATGCTACTGATGA
AAAGGAAAACCTTGAAATGATATGGTGTGAGCAGCCTATTGCCAAATTTTATGGTACATCTGTGGAGGTGGA
AGTAAGGGGAAAGAGAGAGCTGAGACTTTCAAATCATAGAGAACTTACGTTATGAATGCCCCAAATCTGAT
GTTCAAATTCCTTCAACACCTGGGGCTGAATGGAGTGGTAATCTCAGAATTGCTTNGCATGACAGTGGTCTT
GA

>trans_s_3476 Novel Gene

TTTTATTATTATTATTATTATTATTAGTTTAATTAGTTTATTTATTTGTCCATCTCTTCTCTTACTCTCTATCT
AGATTTCTCAGAAGAGGTGTCTGTTCCGGAGATTGATTTAATCGGCGATCTTTACCACTGCTCCTCGTGAAT
CAGACTCCTCTTCTCCTTCTCTCCCTACAATATAATGTTCCAGATTTTCAAGGTACATCTTTCTTTTTTAACGCA
TAATTTTCTTTATTTTACACCTTTCAAATTTGCAATTATTACATAATAATCAAATAACAAACACCATTTTTT
TTCTTCCCCTTCTTAGAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTGCGAGTGTCCGGGTTTTTGT
TTGTAATTTTACTTAGTTGTACATACTAAGATCTTCTATTTTAGATAGTTTGAAGAAAGAAAGAAACAAT
TGATTAATTTGGGTGTCCCCAGGTAGCGCCTGCAGTCATTAAATTATCTTCCCCTTTTAGTCTTTAATATTCGG
AAAAGAATTTGAGATTGTTCTTTGATTATTTCTTCTGCTTTGTCTGAATTTGAATTAATACAGTACCATTCATAT
TTTGCTTAAATTAATGGGGGATTCTCCCTCTTTTATTCTTTTAAATAAACATAGTAGTTTGTATATGTTTA

CGAATTTCAAATATTTTAAATTAGAAATATAGAATATTAGATGATAATGGTGTGGGGTGTGTTGGCCTTGGCT
TCTCTGCATCATTGACTGAGGTCTTTTAGACTGTTTGAAGAGATTCTGAGCTCTA

>trans_s_3477 XM_002890171|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alanine aminotransferase, mRNA

AATTTTCAACCATTTTTGTACTTTCTTTTACCTACAGCACTAACTCCTCATACGTTTCTTCTCGTTCTTGTTTCAT
GGCACCTACTTCCAACGATTTCCCTCCGGTTTCCATTACAAACATCAATCCGAAGGTTCTGAAATGTGAGTATG
CTGTCCGTGGTGAGATTGTCGCTCTTGCTCAGAAAATACGAGAAGAGCTATTGACTAATCCAGGCTCACGTCC
TTTTGAAGAGATACTATACTGCAATATAGGAAATCCTCAGTCACTTGGTCAGCAGCCAATAACATTTTTCCGCG
AGGTTCTTGCGTTGTGTGACCATCCATCTATTCTGGAAAGAAAGGAAGTAGAGGGTTTGTTTCAGTGAAGATGC
TATTAAGCGAGCTTCAGAAATTCTAAAACAAATTCCTGGGAAAGCTACTGGTGCTTACAGCCACAGTCAGGGA
ATTAAGGGGCTACGTGATGCGATTGCTGAAGGAATTAATGCTCGTGATGGTTTTCCAGCAGATCCTAATGATA
TATTTTAAACAGATGGTGCAAGCCCAGCGGTCCATATGATGATGCAATTGTTGATAACTTCAGAGAAAGATGG
AATACTCTGCCCCATTCTCAGTACCCTCTGTACTCTGCTTCTATAGCTCTTCATGGGGGTACTCTTGTTCTTAC
TATCTTGATGAAGCATCGGGGTGGGGATTGGAAATTTCTGAGCTGAAGAAGCAATTGGAGTCTGCCAAGTCT
AAGGGTATTTAGTTAGAGCATTGGTGTTATAAATCCGGGCAATCCTACTGGGCAGGTTCTCACTAANGAAA

>trans_s_3478 AF039851|Glycine max ferredoxin-dependent glutamate synthase (glu) mRNA,
partial cds

ATGATGGTGGAACAGGAGCTAGTCCTATAAGTTCCATTAAGCATGCCGGTGGTCCTTGGGAACTTGGACTGAC
AGAAACACATCAGACCCTTATTGAAAATGGACTTAGAGAAAGGGTCATTCTTAGAGTTGATGGTGGCTTCAAA
AGTGGATTTGATGTCTTAATGGCCGCACCAATGGGTGCAGATGAATATGGTTTTGGTTCAGTTGCCATGATTG
CTACTGGTTGTGTGATGGCCCGCATATGCCACACTAACAACCTGCCAGTTGGTGTTGCCAGTCAGAGAGAGGA
GCTGCGTGCCCGTTCTCCTGGTGTACCTGGTGATCTTGTCAACTATTTCTTTATGTTGCCGAGGAGGTAAGGG
GTACATTGCCCCAGCTGGGATATGAGAAGTTGGACGACATAATCGGAAGAACCGAACTATTAAGACCCCCGAG
ATATCTCTTTGATGAAGACACAACATCTTGATCTTGATTATGTTCTTTCAAATGTTGGATTACCAAAATGGAGCA
GTACTGAAATCCGCAATCAAGATGTTACACAAATGGTCCGCTTCTGGATGATACCCTACTTTAGACCCTCAG
ATATTAGATGCAATTGAGAATGAGAAAGTAGTAGAAAAGATGGTGAAGATATACAATGTTGATCGTGCTGTT
TGTGGGCGTGTAGCAGGGGCGATTGCCAAGAAATATGGTGACACTGGTTTCGCTGGCCAACTGAACATTACG
TTCACAGGTAGTGCTGGACAATCATTGTCATGCTTTCTACGCCTGGAATGAACATTCGGCTTGTTAGGGGAGG
CCAATGA

>trans_s_3479 NM_120866|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT5G07840) mRNA,
complete cds

AGAGAAATCAGAGGGAGTCCAATCAAATTGTAGTGTTTATTCTTTCCCTCGCATCAATACCGCTCTGGCGCTCT
TATTGTTTTAGGCCTTCCAAAAGGAAAAAAAAAAGAAGTCCCTTTTCTTCTCCTTCTAGGGTTTGAACAATC
CGGTCGACTACTGCTCTTCTGTGTCATGTTTCTTTGAGTTCTGTCCGTTTCAAATCAGGCTTTCTTTAATCACCA
CCGCCGATTTTTCCCTTCAACCATTTGTCTAATTGGAATCCGAAGCCCCATTTGTTGTTTCTTCAAATTTCCCTT
TTGCATCATCATTCAATCGATTAGGCTTTTTATCAATTATGATTACAATCTTAAGCCCTTATGACATTCATCG
TAATCGTTCACAATCTTCGTGTTTTTGGTCCTGGATTGAATCCCTTTCACCCTACTGCGTGGCTCATCATTTTGT
TGCTGTTTCTCGCTAATTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTT
GAATCATGTAATTCTTCTGTCTTTTGGGTTCTGGTTTTCTTGTCATAGAAACAAGTTTTGGTTTTTTGTCATA
CAAGGGAGATTTTGTCTTGGTTGTGATTTTACGAAGCGAGGCTGTGTTCTAGGTGATTGACTGAAGGGGAA
TTTAAGAACATGCCTCAGGAACAAAGGAGCCCGATTAGTCGAAGCCTTTCAGAAGGCGTTCCTTCCGATATG
AAGTATTCAATACGGATGATAGGGGATGGACTTCTCTCCACATTCAATGAAAACCCA

>trans_s_3480 FJ560707|Glycine max transcription factor MYB884 mRNA, complete cds

AAGAAGATAGATAGAAAACGAGATACCCTATCTCCTTTGCACGTACGATTGAAATTCCTCTACACAATTACAT
AACTCTCTTTCTCTCTTAATCTTCGGTTTTCTTTGATTTTTTTCCCTCTCTCTCTCGATCAACCCATTGTTGGTT
GTTGGAGTGTGAAAATAAGCTGCGTTGAATAAACCAGTACTGTCTCTTTCAGTTGATTTTACCATTTCCTT
GCTGAGTCAACTCGGCCTTCACTTGATTCTATGTTTATGTATTTTAGTTGCATGTGGTGGATTTTCCATGGAAAC
AGAGGTTGGAATTGTGGAGAATGAAAGGAAGATTGTTGAAAGCGGGGCTGCTGAGGATGGCTCCACTCTGT
CCCCAAATCAGATTGCTGACCCAGTTGTGTACAACTTGTGAGGGTTAAAGGTACCGTCGTTCTCATAGAGAT
GTCAATTGATGAAGGTTGATGGTGTATGGCAGATTTGTTCTGCCACAGATGATGAGGTAATGGAGGTTGAGG
ATTTACTTGAAGACGACAAGAATGAAAAAGTGAAGATGCTGGACAGATAGTAGGATGCAAACCCACAGAA
GACACTTTATTTGGGAAGCCTCATGTAGAAGTCTTGAATGGTTGCCTTTTTCTTTCTTTTTTCATCTCTTTCTTT
GCTATTATAATTACTCCTTAGTGTGTTCCCTCTAGGATAGGATGTTTATTCAGTGCTTCCAATCTTCAAAGTGTG
ATTTTTATGTCGAGTGGGTTAAATTGTGATTATAAGAGACTAGTTACCTATGTTTTCATTTTTATTTT

>trans_s_3481 XM_002883491|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal peptidase I family protein,
mRNA

TATACAGATGAAGATGTCTTCATTAAGAGTTGTTGCTAAAGAAGGTGATACTGTAGAGGTTCCGAAGGGA
AACTTATCGTTAATGGGGTTGAGAGAGGCGAAAAATTTATCCTTGAACCACCATCATATGATATGACTCCAG
TTCAAGTGCCAGAAAACCTCAGTCTTCGTGATGGGTGATAATCGCAATAACAGCTATGATTCTCATGTTTGGGG
TCCTCTTCCTGCCAAGAATATAATAGGGAGATCATTATTCGCTATTGGCCTCCTAACAGAATCGGTGGAACAG
TTTCTGAGCCGAGCTGTGCTATTGATAAGGAAGAGAGCATTCTTCCACACCAGAAAATTTCCAGCCTACAGAC
CACAAATTCTCAACCATAACGGTTTGGGTCATGTTCTGTAAAGTTCAGTTCGTCCCTCTGCAAATGCCTTTATGG
TCACCATTTGTTACCTTATTATTGCAAGCTCTTTTTATTTGTAGTTTGAGGAACTGGCCATTTTGTGTAAGGCC
CTAGATATTATTGGTCTTGGTTTTTGCAAGTACTAGTTGACTCAACACCATCAATTATCTGTAATTTGAACTTC
AGTCCCGTCTCTCTTATGCGTCAACCACAGTTGAAAGATCTGAAGATTCTGAACTAGTGACATTGTCATTCTTA
GTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCCGAAAACCTTACCAAACCCGCCAAC
CCCG

>trans_s_3482 XM_002881926|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CHL-CPN10, mRNA

AAATAAAATAGATGATGGGTTTAGGGTTTAGAAATGTATAGAACATTCTAGATTGATAATCCATTTTATCGTTA
CGCAATCTCTACCCATCTCTTCCACTTGGACGGGTTAACAGTATTTTCATTTCCGTTTCCATTGCCTCTGCAGCT
TATTCCAAACCTCGCGCTCCGCCGTTTAGCTCACTACCTTATCCATGGCGTCTATGTTCTTGACCGTGAAGCCT
TTTGTAACAAATTTGAAACACCCACTTTCTCAAATCAGAGATTACACAGCACTCGGAGAATCTCCCTTAAAGT
TTGTGCTGTGGGGAATAATTGGAACCCGCCAAGGTTGTTCCACAAGGGGATAGAGCCCTCATTGGGCTCGA
GGAGCTTCCTGAGAAATCAGCAGGAGGAGTTCTACTTCCCAAGTCAGCCGTTAAATTTGAGCGTTATCTTTTA
GGAGAGATCCTCTCTACAGGTGCTGATGCCGGGGATTGGGGCAAGGAAAGAAGGTTCTTTCTCAGACATA
AGTGCTTATGAGGTGGATTTAGGCACAGATGCAAAACATGTCTTCTGCAAAGCAAGTGATTTACTGGCTGTAG
TTGAGTAAGTGTTAGGTTACCTTATTCTTTGTAAGGCAGAAGGATTTTTCATTGTTGTGGCTTCAAATGTAGTT
GAATATGATATATTTGAAGCTTCTATCTCAGTTCCATGGATATCATTTCACTCAGCCTCAAAGACGTTCACTCTG
CTTTCAGTAGTTTATAGAATTTTGATTTCTCAATGGTAAACTTTGAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3483 NM_127816|Arabidopsis thaliana UCP5 (UNCOUPLING PROTEIN 5); binding (UCP5)
mRNA, complete cds

AATCAAACCATTATTTGTTTGCGTAATACAGAGTCCTCTGTTAGCATATGTCTCATAGACCCATCGTTCCTCATT
ATTCCTCCATTGCCTTCCATCTTCATTCCCATCTCTTGGTTTCTAGTGAGATGAACTCTAATTCCAACCTGGTCTTT
TTAATCCCTATTTTCTCTGTCTTTTCCGTTTCCCATATCAGATCTCTCCATATTTCTCTCTTTCCGATTCTCTTC
TTTCTTTCCCGAGAAAATCTCCACTCCTCAACAATGGGTGTCAAGGGATTGTGCGAAGGTGGAATTGCTTCCAT
CGTTGCCGGTTGTTCCACCCACCCGCTTGATCTAATCAAGGTCCGAATGCAACTTCAGGGTGAGACCCCTGCTC
CCACCGCTGCGGTTAATAACCTCCGCCCTGCTCTCGCTTTTCAAACCACCTCTGTAAGTCTCGAGGTCTATTA
ATATTCCTCCCCCGCCGCTCCGACGGCGCGTGTGGTCCAATCGCTGTTGGAGTTCGTATTGTGCAGCAGGA
AGGAGTCGCCGCTCTTTTCTCTGGCGTTTCCGCCACCGTTCTACGACAGACTCTGTACTCCACTACCCGTATGG
GGCTTTACGATATTCTAAACAAAAATGGACCGATCAGGATACCGGAAAAATGCCGCTCATTGGAAGATATC
GGCCGGTTTGATCGCCGGTGCGGTAGGTGCTGCAGTTGGCAACCCGGCTGATGTAGCGATGGTCCGAATGCA
AGCCGACGGACGGCTACCATTGGCGCAGCGTCGGAATTACAAAAGCGTGGTCGACGCCATAACCC

>trans_s_3484 NM_117129|Arabidopsis thaliana CID12; RNA binding (CID12) mRNA, complete cds

ATTTCTATTTTGTCTGGGAACGCCAAAGCCAAAGCCAAAGCCAAAGCCAAAGCCAAATCCGACGATC
TCAACGGCGACCTAACCAACAGGGTTTCTCGTTTTCATTTGATCCTCCTCTTCAATTTCAATTTCTGCTCTTTTAC
TTCCTCCAATCCACCATCTCCTGCTGGGTTTCTTGTGTACCAATGGAAATGTATTGATAATGATAACCCCCGCC
CGCCCGCCCGCCCTCAGTATAAGATTGCCAAAACAACCATCTTGTCATAAAACCTCTCTCGCATCATGGCG
GTTGCTGAGAATGTTGGACCCAAAATCGGCTCTCCAAGACAACTTTGGATAACACCTTGGTTTCTCCGATTC
AAATGACCCCCAAACATGTTGAAAATCAGAAGCCTATAAACGATTCTACACTTCCGATTAATGCAGATTCCGACT
TTCATCCAAACCCCAATGATCAGAATTTGCAGAACAAAGGTACATCTTCAGGACAGAGCTGGTGCCGCAACTTC
TTTTTCACTTCTTCCCCCAATTTCAAGCCCCAAATGGATGAACAGATGCAGAACGGCTTTGAACTAATCCCC
AGTCGTTGATGGTGAACCTCTGCTTCTGCTTATGGGATGAATCACAGGCCTAACGGTGTCTTAATGGAGCCGA
TGGAGGGGACACCTTTAAGAGAGATATGAGGGATCTGGAGGAGTTACTGTCCAAATTGAATCCCATGGCTGA
GGAATTTGTCCTCCTTCACTAGCCAAAACTTTTCTGTTACTTCACCGGTGCTGGCCTTGGGTATACTA

>trans_s_3485 XM_002328851|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHC904), mRNA

ATATGTTGTCAATGAAGCATTGCAATCACCAGCTAATTGTTATGGCTTGGCTTGGACTAAAGAGCAATGTTTTG
TGGAATTCACATACCATGTGCACTAATGAATCATTGGCATGGCATTGAAACCATCAGGTGTTTGCTACTAACT
AAAGGGTGTCTACATGTATCTTAGCAAGCTAATCCAATGAAGCTCCCATCAAAAATTGGCAATCCATAGCAA
CTCAATAAGATCCCAGTCATGTACTTCCAGGTGCATCACTCCCTGTTGCTGGTTTTGATTATATACCGGATCA
CAGCATCTTCAACCCATGGTTGATTGAAGAAATCTGATCGTCGCTCCTTTTCAGCATTTGACTAGCTTCTCCTG
CAAGAAGTTTTAGATCCTTGCTTTGAGATTCAATCAAGGCATCAATAAACTCCACTGGTGACTGACTGAACCCA
AGGAAAAATGCACGTCTCCGGCGATGCTCGTGAATTTTCTTATAGCTGTACAAATTGCTTCATCACATGCATC
AATCTCCTTGTCTTCTCTGCATTGGCTAATAGAGCAGACAATTCCCGGTGAATTGGGAAAGGCACATCAACCA
ACACATCGTAGCATGCTGTACCTGCTGGACTATTCCCTGAAAGCTTAACCTTATGTTCCAGATGTATAGGCTGT
GGAGGAAACAAGTGTGTGATATTCTGTGATACCATGGTGAATTTCAATTTGTCTTCACCAATACCTTCTG
GAGAGGTGGATCACAATGAAAGAAAGATGGATCATTGGGATTCTGAAGTTTCTAGCCTTTACATAAT

>trans_s_3486 AJ538516|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BC2-M41-002

ATATTAGTGCTTGACGAAGCTACTGCATCAATTGACAATGCGACTGATATGATTCTACAGAAAATATTGATC
TGAATTCGCCGACTGTACTGTGATTACAGTTGCTCACAGAATACCAACTGTTATGGATTGCACAATGGTGCTTG
CTATAAGTGATGGGAGAATAGCAGAATACGATGAACCGGTACGTTGATCAAAAGAGAAGGCTCCCTATTTG
GACAGTTAGTGAAAGAATACTGGTCTCACTCAGCATCTGCACAATTATTTTGAAATCAACAGTTTGTGGCCCA

GGGGCATATTCTTTTGTCTGTCTGAAAAGAAATTCAAAAATGGATTTTGAAAGACAAAAGGGGGAGTAGATA
TTGAAGAGCAACTGATCAGGCGTACTTATCAGAGTCTTTTCATAGAGGTCCTTCGTTTTTTGTGGTGCAGTCCT
GCTTCATTGAGAAATGGCCATCTCCCATCCGAGTAGCTGGAGCAAACAGTAATAGCCACATTCTGTTAGGGG
GAAATTTTGTTCGAATGGAACCGTTTTCTTACCAATTAGTTTCGCGAGGGAATCAAGAATTTGTAAATATCT
TCTCATTCTCCCTTCTCAAACGTCATTAATGATCATTGTACCAGTAAGATTTTTGGTGAGAAACATGTATGTTT
CATCTATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAGCAGC
GGTAATGAGACTTTGAAAAGATATTCGACTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_3487 L01433|Soybean calmodulin (SCaM-4) mRNA, complete cds

AACCCTCTCTGTTTCTTCTCCTTCCCGTTTCCCCCTTCTCTCTCTCTCTGTTTGTTCGAGAAAATTTTC
TGAAGAAAAAACATGACGGAAGTACTGAGTGAAGAACAGATCGTGGAGTTTAAGGAAGCCTTTTGTCTGT
TCGACAAGGACGGCGATGGGTGCATTACTATCGAGGAATTGGCGACGGTGATCCGATCGTTGGATCAGAATC
CGACGGAGGAGGAGCTTCAGGATATGATCAAGGAAGTCGATGTCGACGGCAATGGAATATCGAATTTGCTG
AGTTTCTCAATTTAATGGCCAAGAAAATTAAGGAAACCGATGCCGAAGAAGAGCTGAAGGAGGCTTTCAAAG
TGTTGACAAAGATCAAACGGATACATCTCAGCCACTGAGCTGAGGCACGTGATGATCAACCTCGGGGAGA
AGCTGACAGATGATGAAGTGGAGCAAATGATCAAAGAGGCCGATCTTGACGGTGATGGTCAAGTCAACTTTG
AAGAATTCGTCAGATGATGATGGCCGTTGGATGATTGTTTCAAAGTAGCTTTTAAATCAAATCAACGGACC
CAAAAAATATGGGATTACTACTCAATTAGTCAATTTCAATTTATTTTCATATACTTTCAATTTATTTCTGCCTTTTCT
TTTTTTACGTAATTATCAATTAATTTGTAGCCTTTTTTTTTTCCCCTTTTAGCCCAACTTGTTTCATTAATGTAAGCA
GCACTTTATTCTTAATAACAATTTTATTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3488 NM_123003|Arabidopsis thaliana CCB3 (COFACTOR ASSEMBLY, COMPLEX C (B6F),)
(CCB3) mRNA, complete cds

ATTGATGATAAAGGGATAGCCTTCTCATTCTCCTCCAGCGGAGCTCCTCTGTGAAACCCATGGCCGCCACCGC
TGCCTGCTCCTCTCTCAGCTCCATTGCAAGAGGCTTCAAGTACCATCCTCAAAGAAATCCAACTACAAATTCC
AAGCAATCAAATGTAGCTCATCTTTGTTGGGTTCTTTACCTCTTCCAAGATTCTTCCGCTACTGGCCTATGTCA
TCCCTCCATTAAAGCCAGCTGCTGCTTACGAAGCTGCAAGGACTATCCCCTTTCCTTGCAAGATGCATCAATG
GCTGCCTCTGATTTTGTGAACAGTATGACCTTGCTGACCTCGACCCAGGAACGGCAAAGCTTGCGATCAGCT
TTCTGGGGCCGCTCTCTCGGTGTTTTCGTTTTTGTATTGCTAGAAATAGTAATGTCTTGGTATCCCAAGTTGC
CAGTGGGGAAGTTTCCATATGTTATAGCTTATGCCCCACTGAACCACTTCTAATTGCAACAAGGAAGGTGAT
CCCTCCTCTCGGCGGAGTTGACGTAACACCAGTTGTCTGGTTGCGATTGGTTAGTTTCTCAACGAGATATTGC
TCGGTCCCCAAGGGCTGCTTGCTCCTTTCTCAACAAGTCAGCTAAATCTTGATGAGAATGCTTCAGAGAAAC
ATTCTTTTGTTTTTAGTTCTGTATATGCAACTGATCTTCTTAGCTGAACCTCTTGGTTCCAAAAGGCAAAGGA
TGTGAGAACTTGAAATCTTAATGAAAGAAAATTTCCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3489 NM_129085|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding (AT2G35330)
mRNA, complete cds

ATTGCAGAGGAGAAGGATAATATATCAAAGTTGCAAGATCAATTGGAGATGATCAAGTTAGGTCAAAAAGAG
GCTGAGGTGAGGTGGAGGCAGGAGGTGAATGCTAAAGAGGCTGCCATGGCACAAGTGGAAGACGAAAGAC
GTAGTAAAGAAGCAGCAGAGGCTAGTAGTAAACGAAAGCTCGAGGCACTACGCCTTAAGATAGAGATAGATT
TTCAGCGCCACAAGGATGATCTCAAAGGCTTGAACAAGAACTTTTGCCTTAAAGGCATCTGCACAATCCAC
AGAGTCACACCACCCCTCAATAACAATACACCTAAAGGGAATTCTGACAGTGTAACCCCAAGGAGAAACC
ATTGCGAAAATGCTTCGGGAATTAGACAGTTATGAGGATTCGTGAGAGAAAGACCTCAATCAAGACCGTGAC

TGCATAATATGTAAGAGGGGTGAGGTCTCTATTGTTTTCTTGCCTTGTGCTCACCAAGTTCTGTGTGCCAGTTG
CAGTGACAACTATGGCAAAAAGGGTAGAGCAACATGCCCATGTTGTCTGGGTACAATAGAACAAAGAATCCG
AGTTTTTGGTGCAAGTTCATAGAAGAATAGTAATGAAGAAGAGGTTAAAGAATACCATGTTTCGAACTGTAAT
ATTTGTTTGTTAAAAGAACTCCATTGCCTTGGAATATACCTTCGAACATGTTTACAGTTTACAAAATTTACCT
AAATCGAATATGCTTATGATATATGAGAATGGTTGACAGTGTATATAATATAAATAAAAAGCAGTAACTTTGC
GTAAAAAAA

>trans_s_3490 XM_002514988|Ricinus communis photosystem II core complex proteins psbY,
chloroplast precursor, mRNA

GCTCTCATTTCCCCAAATCCTCTCTCAAATTTCCCAAAACCTCTCTTCTTCATCCATCACAACCCTAATTCCTATT
CCTTCCACACCAATTTCTTCACTCTCCTTCAATGGCGGCAACAATGGCGACCATGGCTATCCTCAACGCCAAAT
GCTTCACCCCCATTAATAAAACCCAGTACTTCTCCCTTCAAACCCACCAAAACCCATCTCCCTCCCTTTCCCTAT
CCCAACCAAACCTTCCCTCGCCGGTACCGCCATCGCCGGAGCAATCTTCTCAACACTGAGCTCCGGAGACGCT
GCTTTCGCTGCCAACAGATCGCCGATTTAGCCGAAGGCGACAACCGGGGACTGGCCCTTTTGCTGCCGCTCA
TCCCGGCGGTGGCTTGGGTTCTGTTCAACATTCTCAGCCGGCGTTGAATCAGATTAATCGGATGCGTACGGA
GAAGGCGGTGATTGTTGGGTGGGTCTGGGTGGGTGCTGGCATCGGGGCTGGTGGGGACGCCGGAGGCTA
TGGCCGCGGAGGCTTCGAACGACTCGCGAGGACAGTTGCTGTTGATTGTGGTGGCGCCGGCGATTGCTTGGG
TTTTGTATAATATTTTACAACCGGCGTTGAACCAGCTGAACCGGATGAGATCGGAGTGAAAATGGTGATTAGC
TGATGAACCTTAAATTACTTGTAATTTTAAATGCAATTCTCTCTTCTGCTTTATAAATGAAGCGTTGGAGTCTTA
TGCCCAAACCTTAAAGATTTTTTTTTGGGTCTTTTCTAAGTGTTAAAAA

>trans_s_3491 AY107722|Zea mays PCO146241 mRNA sequence

AAATCTAATGTAGAAAGAACACGATGGGCATGTGGTTGTTTTCGAAATGTTTGGTCAATTGTAAGAAGAAAT
GAAGGCAATTTGAAGCCATTACCTTAAATCCAACGCAAATATCATCTTCTTCTTCCATCCTTCAATCAATCACAA
GCAACTCTGCTCCATTAGCATCATCAGAGATTAACCATGGCCGCTCTTCTTCTTCACTCCTTCTACTGCGAGC
GTTCTGTTTGGAGAAATGGGGAAATTGAAGGCACGGAGTCATCATTCCATTTTATCATCCAAGAAACCTATGC
GCAGTAGCTTTCTTCGTCTCGGCTCCAACAATTCTACAAATGGCATCTCCGCATTTTCTTCAACCCTGTTGAGG
ATCCTGTACTCAAAGAAGCTCTTAAGGAGCCAGTGGCGTTTGCAGGTGGGCTATTTGCTGGACTTTTAAGGCT
TGATTTGAACGAAGATCCACTAAAGGAATGGGTTAAGAAGACAGTGGAATCAGCTGGACTCACGGAGGAAG
TTGATACTCAAGGATCTGTACAAGAGGATGGCCCGACCGAGATCGAGATTGAATGATCCCATCAATGGATCTA
ACCTGGTATAGACAATCTTATTTATTCCAATAATATAAACCAGAAAAGTGCGAATGAAATGATATTTGATTACT
ATTACTACAGCTCCCTTCTAACTTTCTTTTTCTTGATTTAGGAGGAAACATTTCTTTAGTGTTCTGAATTAATCA
GTTGTTTCAAGTTTAATTAATTAATTAATATATATATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3492 XM_002877509|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S20, mRNA

AATCATATAAATTGTAATATCGTCACTCTCGTTCCCCTTCTTTCAGAGGCAGCTGGATACGCAATTGTTGAGATC
TCCTTCGCACCCGCCGTCCCAGATTCATTTTGAAACAGGAAGTATGGCGTACGCAGCAATGAAACCAACTAA
GCCAGGCTTAGAAGACACACAAGAGCAAATCCATAAGATCAGGATTACACTCTCCTCAAAAATGTCAAGAAC
CTCGAGAAAGTCTGCGCCGATTTGGTTCGTGGTGCGAAGGACAAGAGGTTGAGGGTGAAGGGACCAAGTGAAG
AATGCCCACTAAAGTTCTCCACATCACAACCAGAAAATCTCCATGTGGTGAAGGTACCAACACATGGGACAGA
TTTGAACCTTCGTGTTTACAAGCGAGTTATTGACCTTTTCAGCTCTGCTGATGTAGTGAAGCAGATTACCTCCAT
CACCATTGAACCTGGGGTGGAGGTTGAGGTCACCATCGCCGATCAATGAGTGCACTCTTTTTCATGTTTCGACT
ATTTTTAGTTTCATTAGACAGCTGTTACTTTTTTGGGTTTGGAAACATACCTGTCAGGTCATTGGGGTTTAAATGC
AATAGTTGTTCCATTATATGTTGAAATTAAGACATTGATAGAGTTTTCAATTCCTGGCAAATTTTTCTTGCTT

TAGAACTAATGTTAATTTTTCTATCTATGCAGATTTGTATCTATAGCTGTGTGAATTCTTTCTTAATTCAGATTT
AAATGTGCAATGCTTCAATAATCCATATCACGGTCTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3493 AL161583|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 79

ACTTCCGAGAGGATCCCAAAATTGCGTTGCTTGTTTCCTCCGACTAGGGCGGCTGCTGGTCTTCTGGACGGAG
ACCCTTCATCCGATTTAACTCGCTCTGTGTCACTTTCTTCATTTGGTTCTTGTTTGAATCCCGACAACGAAGAAC
GAGAGGACTGATCTGTTCCCTTGTAAGAGACTCGAGTGCAGAGAGAGGATTCTCGATGGATGTACAAATGA
AGGACGAAAAGAGCTTGGAAGAAGAAGATGATTATGTCGAATATGTTCTGTGGCAAAACGTAGAGCGATG
GAAGCTCAAAAGATTCTTATGCGCAAGGGCAAGGCTTCTGCTCTTGAGGAAGAGTTGGAGAAATCAAGACTT
GCTGAAGCCAAGCCTAGTCTCCTTGTAAGCATCTCAGATGAAGCGTGACCAACCAGAAGTTAGTTCAACAG
AACAGATTGTTTCAGCAAGAGAAAGAGATGATCGAGCATTTATCTGATCGTAAACTCTAATGTCAGTTCGTGA
ACTAGCAAAAGGAATTACATACAGAGCCATTATTAAGTGGATGGAAGCCACCATTGCCTATCAGGAGGATG
CCAAAAAGGCGTGTGATTTGATTGCGAAACAGTGGCACATAATAGTTGATGGTGACGAGATCCCACCACCTA
TTAAAACTTCAAGGACATGAGACTCCCTGAACCAGTTTTGAAGAAATTGAAAGAAAAAGGAATTGTGCAACC
TACTCCATTCAAGTCCAAGGTCTTCTGTAATTTTATCTGGCAGAGATATGATTGGGGATTGCATTTACNGGT
TCGGGAA

>trans_s_3494 AF205130|Nicotiana tabacum guanylate kinase (GK-1) mRNA, complete cds

CTCGAGAAGCGCCTTCGTGCTAGAGGAACTGAACTGAAGAACAAATCCTCAAACGACTGCGAAATGCTGAG
GCAGAGATCAAGGAAGGAGAATCCTCTGGTATATTTGATCATTTCTTGTTCAATGATAACCTTGAAGAGTGCT
ATTTGAGTCTCAAGAACTCTTGGGGATTGATGCGAGCGTCAATACTTGCACTGAATCAATTCAGAAGATTT
GGACCTTCCTCAATTGTCCATTAGTATCAAGGATTGATAACAAATTATAATAAGCTACCGAAGTTTCAAGACC
TTGATAATGAATCTCAGAAGATGATTGTATTGGATCTATCCTCAATCAAAGGTGGAGCACCTGGCCGACAAG
AGGGCTGGAGGCTTATGCAATTGACTCGGTTACAAATGGCTCAACTATGATCAATCAGACTAGCTAACGAACC
CTCCACCTATGATGATTTACACTGCTAAGTTTGTACCTTCTACAGATGACAGCGAAGAGATGATGGTGCATT
CCCTATTGAACACATTAATTTGAGACGACATAACTAGTTTGAATTTTCCAGTCTCACCTTTTGTTCGATTTTTT
TAAGTTTAGGAAGAGAAATGACTTGAAGCAGTGTCTGAAAGATCGACATCATTATTATTCTCTTACATTT
CATTACATGGGTGTGAGAATGTGATCTATGATTTTTCTGCGGCGAATTGACTCATTATTTATACAACACTAACA
CTTTTCTTGCTTGTTAGAAATTGGAAGCCCCATTTTCCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3495 XM_002878558|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase, mRNA

AAATTATGAAGAAATAATGAGTCTCAGGTTCAAAGAAGCGACCGACTCAGAAACGGAGACGAAGATCCCTCG
TCCTTTTGATCTAGGAAAGCGGCAGACGTTGGATCTCGGCAATGGAAGCGAAATCCTCTACATTAGCAAGTTC
GTCTCCTCCGATCAGGCTTGGACCTGGTTCGATTATCTCAATCAACGTATTCCATGGACCAGGCCACCATTG
CGTCTTCGGTCGCTCCGTTCTTCAGCCTAGAGATACTTGCTACGTTGCACATCCTGGATTGACTACATTAACCTA
TAGTGGGTATAAACCTCATGCCTATACTTGGGATGATTTTACTCCTCTTAAGGACATTTTGGATGCTGTCCACG
AAGCTCCTCCGGGAAGCAGATTTAATAGCTTACTCTTGAACAGGTATAAAGGTGGTAATGATTATGTGGGTG
GCATTCTGATGATGAGAAAGTGTATGCACTGAACCAGGAGATTGCTTCTGTATCATTTGGATGTGAACGGGAT
CTCTTGTTGAAGAAGAAGCCCAACAAACTTCTCAACGAAGAAATGACGAGGTGCCTCCAGCCAAGAAATCA
AAGAAATGCAATGGGGCTGATACACACTCATTTGTAATAAGCATGGTTCACTTTTGGTTATGAAAGGCTACA
CTCAACGAGATTGGATGCATTAGTGCCTAAGCGCCTTAAGGCAGAGGCAACCCGCATCAATCTTACTTTAG
ACACATTATAAGTGAATGATTTTTGAGTTTAATACAGATTGTTGTAGGAATGTCCTTCGTAAGGTTCAAGTG
TC

>trans_s_3496 NM_129255|Arabidopsis thaliana SIGF (RNA POLYMERASE SIGMA-SUBUNIT F); DNA binding / DNA-directed RNA polymerase/ sigma factor/ transcription factor (SIGF) mRNA, complete cds

AGAAGAGTTAGCAGCACATGTTGGAATTACAGTGGAGAGATTGGATAAGTTAATGTTTATGTCAAGAATCCC
ACGTTCTTGCAGCAACCTGTATGGGCTGACCAAGATACCACTTATCAGGAAATAACTGCAGACTCTGAAGTT
GACACACCTGATGTCAGTGTAGAAAGGGAACCTATGCGAAGGCATATCCGGAATCTCCTTAGCATTCTCAGTC
CAAAAGAGAGACGGATAATCAGACTACGATTTGGTATTGAAGATGGTAAAGAGAAGACACTGTTGGAAATTG
GCAACATGTTCTGGTTTGTCCAAGGAGAGGGTACGACAGCTTGAGAACCGAGCCTTATACAAGCTTAAACGAT
GCTGCAACAGCCAAGGACTTGGCGCATATGCTGATTTACTGACTTGAAATCATATGATCATTGCAATTTGTAGT
ATATGCATCAATTTGATCTGAACATTTTCATCTTCCATATATCAGAAGCTGTAGTTTTGGGCAGTTGGAAGGTCT
CTTTCAGAAACTCTGCCAGAAACAAACAATACTTTTACTTTTGTAAAGTCCCAGCAGCTATGTATTGTATGTATA
TGAAGTTCATTTGTATTCTTTTTTAGGTGTAGTACAGCCTGGTACTGCTCTTCTAAGATGCTTAGCAATTGATAC
TGATGAAATATGCTGACATCTTAAAGTGTATCTTCAATTCATTCCAGAAATGATATTCAATGAAAATGAAGAA
ACAATGTTTTTCTNGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_3497 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AAAGAGAGCGAAAACCGTATCGCGTAAAAACGCGGGAGCGGGCGTGCTGGGGCTATTAGCTCAGTGGTAG
AGCGCGCCCCTGATAATTGCGTCGTTGTGCCTGGGCTGTGAGGGCTCTCAGCCACATGGATAGTTCAATGTGC
TCATCAGCGCCTGACCCTGAGATGTGGATCATCCAAGGCACATTAGCATGGCGTACTTCTCCTGTTTGAACCG
GGGTTTGAAACCAAACCTTCTCCTCAGGAGGATAGATGGGGCGATTCAAGGTGAGATCCAATGTAGATCCAACCT
TCTATTCACCTCGTGGGATCCGGGCGGTCCGGGGGGGACCACCTCGGCTCCTCTCTTCTCGAGAATCCATACAT
CCCTTATCAGTATATGGACAGCTATCTCTCGAGCACAGGTTTAGGTTGCGCCTCAATGGGAAAATAAAACGGA
GCACCTAACAAACGTATCTTCACAGACCAAGAACTACGAGATCGCCCCCTTTCATTCTGGGGTGACCCTCCCTAGC
ATGGTAAGCTCGGAAAAAAGACGTCCCCCGGAGGTCTGGAGAAAGCTGCAATCAATAGGATTTTCTTAA
TCCTCCCTTCCCGAAAGCGAAAGGAAGAACGTGAAATTCTTTTCTTTCTTCCGCAGGGACCAGGAGATTGGA
AAAAGGATCTTAGAGTGTCTAGGGTTGGGCCAGGAGGGTTTCTTAACGCCTTCTTTTTCTTCTCATCGGAGTT
ATTTACAAAGACTTGCCATGGTAAGGAAGAAGGGGGGAACAAGCACACTTGGAGAGCGCAGTACAACGGA
GAGTTGT

>trans_s_3498 AY701319|Nicotiana benthamiana autophagy protein ATG7 mRNA, partial cds

ACTTTATCCCTTGTTGGTAAAGCCCTGATTGATGATCCTAAAGGGTTGAGAGATCAATGCTGTATGCCTAATGC
GGTTGGATGGGAACTGAATAAAGGGAAGAAATTCTACAAAACCTATCAACCTTGCAAAATCGATGGACCCAAC
TCGATTAGCTATATCAGCAGCAGATTTGAATTTGAGACTAATGAGGTGGCGTGCTTTGCCTTCTTTAAACATAA
ACATCTTGTCTTCTCTCAAGTGTCTCTTGCTAGGGGCAGGCATGGGGTGACGAAAAATTACACTAGTTGACA
GTGGAAGGGTAGCTATGTCTAATCCATTGAGGCAATCACTTTACACATTGGAGGACTGCCTTAATGGCGGTGA
CTTTAAAGCTGAAGCAGCAGTTAAAAGTCTCAATCGAATTTTCTGCCATGGAAGCAGAAGGTGTTGTGATT
TCCATACCAATGCCTGGGCATCCTGTTCCAGACCATGAAGCAGCCAGCACAAATTGATGATTGTAGACGACTTG
ATGACTTAATTAACCTCTCATGATGCAGTTTTCTTGTTGACTGATACTAGGGAAAGTAGGTGGCTTCTACACTT
CTATGTGCCAATGCAAACAAGGTTACTATCACCGCAGCTTTGGGGTTTGACAGTTTCTTAGTTATGCGCCATGG
AGCTGGTCCTTCTGGTTCTGCCATGACTCCACATCTCAAATAATATAGCTAACCTTTCTTAAATGCTACAAA
CACCAGGCAGAGATTGGGCTGTTACTTCTGTAATGATGTTGTTGCGCCTATTGATTCAACTGCCAACCGGACA

>trans_s_3499 AB598414|Eutrema salsugineum gene for ATP-dependent zinc metalloprotease
ThFtsH8, complete cds

CATGCTAATAACAAGAAGTTTGACAATGATGTTTCTCTCGATGTTATAGCCATGAGAACACCTGGTTTCAGCGG
GGCTGATCTTGCAAACCTGTTGAATGAGGCTGCCATATTGGCTGGACGGCGTGGTAAGACTGCTATTTTCATCT
AAAGAGATCGACGATTCAATTGATCGAATTGTAGCTGGCATGGAAGGAACAGTAATGACTGATGGGAAGAG
CAAAAGCCTTGTGGCATATCATGAAGTTGGGCACGCCATTTGTGGTACTTTACCTCCTGGACATGACCCTGTTT
AAAAGGTGACCTTAGTTCCACGTGGTCAGGCTCGTGGTCTTACCTGGTTCATTCTTCCGATGATCCAACCTTG
ATCTCTAAGCAGCAACTCTTTGCTAGAATCGTTGGTGGACTAGGCGGCAGGGCAGCCGAGGAAGTGATCTTT
GGGGAACCTGAGGTGACAACAGGTGCAGCAGGTGACCTTCAACAGACCACTGGGTTAGCCAAACAGATGGT
TGTAACATTTGGGATGTCAGAAATAGGTCCATGGTCTCTCATGGACTCTGCTCAGAGTGCTGATGTTATCATGC
GAATGATGGCTAGGAACCTCATGTCCGAAAAAATTGCCGAGGACATTGATGCAGCGATCAAGAGAATATCCG
ATGAAGCCTATGAAATTGCATTGGCTCACATTAGGAACAACCGTGAGGCCATGGATAAGATTGTTGAGGTCTT
ACTCGAGAAGGAGACAATAACAGGTGACGAATTCCGGGCTATTCTTTCCGAATTTGTTGAAATCCCAGTTGAA
AACAGGG

>trans_s_3500 AB029092|Cucumis sativus mRNA for arabinogalactan protein, complete cds

ATTCACTTCATCATCTACTACTCACTCACACGGTAGAAATGGGTAGACAATCCGTAATCGCACTCGTTCTCATCT
GCGCCGTCGTCGCTGTTGTCGGTGGCCAGTCTCCGGCTGCTGCTCCCACTACTACCCCGCCGCTACTCCGCCA
GTAGCAGCGAAGTATCCACCTCCAGCCGCATCTCCTGTATCTCCACCGACAAATTCATCTCCCGCCGCCGCTCC
TCAAAAGCCGGCCACTCCAGCACCGGTCTCCACGCCGCTGCATCGGCGCCACCAGCAGTCGCTCCAGTAGCT
TCTCCACCAGCCAGCACTCCTCCGACTGCGTCCGTTCTGCTAGCTCTCCTCCGGCTGCTCCGTTCCACCTAGC
TCTCCACCAGCTGCTACCGTTCCGGCAAGCTCTCCGCCTGTTCCAGTTCGGTTAGTTCTCCACCAGTTCAGTA
CCTGTGAGCTCTCCTCCAGTACCAACTCCAACGGAATCTCCTCCCGTCCCGAAAGTTCTCCTCCTGCCCCAATC
GCGTCGCTCCTGCTGAGGTTCCGGCCCCGGCACCTAGCAAGAAGTCAAAGAAGCACAGAGCACCAGCTCCT
TCTCCAGCGTTGCTCGGTCCACCTGCGCCTCTTCTGAAGCTCCTGCAGGAAGCGAGGAAGGTCCTTCGCCCA
GTCCTTCACTGAAGGACAAGAGTGGAGCAGAAGCATTGATGAAGGTGGCCGGAAGTTTGGCTTTGGGATGG
GCTGCCGTCGCCGTTAGCATTATCTTTAGAGAGAGAGAGAGAGAGATTGATCGTGCTTCATTTATTTAT

>trans_s_3501 XM_002890744|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L34 family
protein, mRNA

CTCCGCTAGAAGAATTAGCTGAAAGGGGGAAACACACAGTCTAACAATGGCAGCGATATCAGTATTATCGTC
CCCATGGGTTTCCAACGGAGCCATTGCCGTCCGCGTTCCTTCAGCTTCTCTTGAATCTCCACTGGTTCTAGAG
GTAGCTGCTCCGTATCTCTGAATACCGCCAACAACACTTCCGCCCGTTCTGGACTGCTCCATTGTTCAATTTCTC
CATCTTCCTCTCTCCTGCTCTTCATCTTTTCAGGTTTATCTTTGGGTTTGGATTGGAGCTCTAAGGTTGGGGT
CGGACAAGGGAAGGGTCGGAGCTTAGTGTTAGGGCTGGCAAGGCTGCACTATGTCAGACTAAAAGAAACA
GGTCGCGTAAATCCTTAGCTCGGACTCATGGGTTTCGCAGACGAATGCGAACCACCAATGGTAGAGCTGTTCT
CAAGCGCAGACGTGCCAAGGGTAGGAAGGTCTCTGCACAAAGTCCAACCCTAGCAGTGGAAGCGTGCTTA
AGTTTTTCTCGCTTTAACCATTTGTAGGTTAATTAGGCAATGTTGTCTAATTCTCTTCCAATGACTGGTCAAG
GTAGCTCTCACTATATTACATGATACTTTGTTATTGATTCATTTGAAAGTTTCTTAATTGTCAATGTTAAATTCAA
ATGTCCTGACGGGACAAGCTTATGTGATTGATGCGTTTGATTGTTCAATTTGGAAATCTCCTCTGAACTGAAAT
ATGTACATCTTCTGATAATAGAAGGAAAATTAACCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3502 AY108391|Zea mays PC0072030 mRNA sequence

GAAATCCCTAATTCCTTCTTGTTCCTTGCTCTCACGTGCTCCCCCTTCTTCTTCTTCTTCTACTTCTTCATTT
CACGCCGTCTCCCGTTCCCTTTCTACAGCTCAGCCGCGCCGCCGCTTCTTCCGTTCAAGTTCTACCGCCGCCTT
TCCTTCGCCTAAACCTCTATTCTAGCAGTTTTAGATCATAGCAAAGAAGAAAGATGAACAAGGACAAGATATTT
AAGCTAGCCAAGGGTTTTAGAGGCAGGGCCAAGAATTGCATAAGGATTGCCAGAGAGCGAGTGGAGAAGGC
TCTCCAATATTCATACAGGGATCGTCGGAACAAGAAACGGGACATGCGCTCTCTTTGGATACAACGCATCAAT
GCTGGCACACGCCTTCATGGGGTGAATTATGGCAATTTTATGCATGGGCTGATGAAGGAGAACGTTCAACTAA
ATAGAAAAGTATTATCAGAGCTCTCAATGCACGAACCTTACAGTTTCAAGGCGCTGGTAGACATCTCTCGTAAT
GCATTTCTGGAAACAAGAATGTAGTGTTCCTCCCAAGAAAGATGCTGCTTCCATGATTGTTAATGGACCGT
TTAAGAGTCCTCTGGACCTCCAGTTATATAGATACTGACTCGGGGTGTTGTCTGGCTTATGATCATCTAGAGTT
GATGCTTGTTTTAGCGTAGTTATTTTGTACTGTTATTGTATTAATTCTCCTAATCTTGTCAGACACCGAAATG
CTTCTCCATTTGAAATGATAAAAGTTTTCTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3503 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GGAAACGCTAAACCGGGTATTCGGTTGTAGATGTAACCAACCCGCTATTAAAGATATCGCAGAAAGAAATAAT
AGAAAAAGAGCTCCAGTATAAAGATCCCCATTAGTGCGTAAACCGATTGTATACCACCACTGATAAACACCAG
AATAAGCGATATTCAGTGGGCAAGAGCACCACTCGAGTAAAGCTTCGACGGCCGTTGACCAAAATGAG
GATCCACCCGTGCATGAGCAATAGGTCTTACATGTAAAGGGTCTGTACCCATGCTTCAAAATTCCTTGCCAA
GCTACATGAAAGAGATTTCCGGAAGTCCACAGAAAAATTATTGCTAATTGCCGAAACAGAGGATGGGGGCG
CCTCAGCGGGAGTACCTCCTGACGGCGCTGCTGCAGTCCCTAGGACTGCACGCGGTAGCAATACCAAACCAA
ATACGACGAGTAGTGGGGTCTGAGCTAAGCCTTGGCTAAACCTTGGAAATCTTAGTGCCATAATGCCTTTCA
AATCCTCCTAGCCATTATCCGACTGCAATAATTCTTGCTAAGAAGAACGCCCATGTTGTGGCAATTCCACCCAG
AAGGTAATGGGTACTCCTACAGCACGTCCTTGGACAATGCTCAAGGCTCTAGGCTGAGTAGCAGGAGCAAC
TTTTAATTTATTATGAGCCCAAACGATGGATTCAATAAGTTCTTGCCAATATGGTGCGGGCGTGAATAGAAAC
ATTAACATAAAAGCCCATACAAAATGAGCACCTAGGAAAAACAGGCCATATGCAGATAATGAAGAACCATAA
GACTGAAT

>trans_s_3504 M73744|Pisum sativum IM30 protein mRNA, complete cds

CTTGGGGTTTTGATCACTCATGGCTGCCCAAACCCATGTTTTTACCGGTTTAGCTTTAGCTTCAACTCCTTCGTC
TTCATTTCAACCCTCTTCTTCCAAGCCCACTACCTCTGTGTGCGCTCAAAGCTCTTAAGAACCTCCTTCTTAAT
GGCGGAGGGAACACTCTACAAATTACACGGATGAAGTCCTTACATTTAGATCGGTCTCATGGCTCTAGACGTG
GAGGTGCTCTTGGTGCTCGCATGAACCTTTTTGACCGTGTTGCAAGGCTTGTAAGTCGTATGCAAATGCACTT
GTTAGTTCTTTGAGGATCCTGAGAAAATCCTGGAGCAGACAGTGCTTGAAATGAATGATGATCTGACAAAGA
TGCGTCAAGCCACAGCACAGGTGCTAGCTTCTCAAAAGCGCTTGAAAACAAGTATAAATCTGCACAGCAAGC
TGCTGATGATTGGTACCGCAAGGCACAACCTAGCTCTCAAAAAAGGAGATGATGATCTTGCTCGGGAAGCTTTA
AAGAGGCGCAAATCATATGCTGATAATGCAAATGCTTTGAAAGCTCAACTTGATCAACAAAAGAGTGTTGTGG
AAAATCTTGTTTCTAATACACGGCTTTTAGAGAGCAAATACAAGAGGCGAGGTCAAAGAAAGACACACTGA
AAGCGCGTGCTCAGTCTGCGAAGACCGCAACCAAAGTGAGCGAAATGTTGGGGAAATGTAACACAAGTAGT
GCTCTCTGCTTTGAGAAAATGGAAGAAGAGTTTTGGCAATGGAATCTCAAGCAGAACCTCCTGCACAGT
TA

>trans_s_3505 NM_001036369|Arabidopsis thaliana RPT2 (ROOT PHOTOTROPISM 2); protein
binding (RPT2) mRNA, complete cds

ATGGACCCATTAAAACTATCGTACGAAGCTCGAGTACATGCTTCACAAAACAAGCGGTTGTCCGTCCAAATAG
TTCTTCATGCTCTCTACTACGATCAACTGAAGCTAAGAAGCGGCACCCCCGATGACCGAAAGAGCACCCAAGA

GGACGCTGCTTCCATGGCAAGGACTCAAGCTCAGGCAGACGTGTCTTTAGTGAAAGAGAATGAGGCATTGAG
GCCAGAATTGATGAAGATGAAGCTCTACATATCTGATATGCAAAGGAGTTCTCAAGGAACATCTTCCATTAAA
GTACCAACCTCTAGATCCAAGGGCACCTTCTTCTCCTCCGTCTCTAAAACGCTTGGGAAACTAAATCCCTTCCGT
CACGGATCAAAGACACTTCTAACATCGATGATGGCATCGACATTACCAAACCCAGGAGGAGAAGATTCTCTA
TATCTTAAATAAAAACTTGTGTGCATTTTGGGTTGTTCTTGAAACATAAATTCGTTGTGTTTATTTGTGAGATTG
ATATTCTTCTTCCATTTTGTCTCTGTTCGTTTTGTATAAAGTTGGTTTCTTTTACTCCTTTTAAAGTTGGTGTTC
AATGTTTTGTTGAATTTGTGTTGTGAACACATTTTATAGTAATTAAGCATACATAATTCCTATGTTTCTTTAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_3506 XM_002330091|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca4
(Lhca4), mRNA

CCCATTTTCTTCTCAATCCAAAAAGATCATTGAGGAGAAATGGCCACCGTCACCACTCAAGCTTCTGCCGCCG
TTTTCCGGCCATGTGCCGCCGATCAAGATTCCTTCCGGTTCTTCCGGTAAACTCCACCGTGTGCTCTCGTTA
AGCCAGTTTCTGCTTCTTCGTCTTCATCTTCAAGGTTGAAGCTAAGAAAGGAGAATGGTTGCCTGGTCTCCCA
TCTCCGGCGTACTTAAACGGCAGTCTTCCCGGTGACAATGGATTTGACCCATTGGGATTAGCGGAAGACCCAG
AGAATTTGAGGTGGTTTGTTCAGCGGAGCTGGTGAATGGGCGGTGGGCGATGCTGGGTGTGCGAGGAATG
CTTCTACCGGAAGTTTTACGAAGATTGGAATCATCAACGCCCTCAATGGTACGACGCCGGAAGGCAGAGT
ACTTCGCCTCGTCGTCAACTCTGTTCTGTAATCGAGTTTATCCTCTTCCATTACGTCGAAATCCGAAGATGGCAA
GACATTA AAAACCTGGCTGTGTTAACCAAGACCCATTTTCAAGCAATACAGTTTGCCACCAATGAATGTG
GTTACCCTGGTGGGATTTTCAATCCCCTGAATTCGCTCCAACCTCTCGAAGCTAAAGAGAAGGAACTAGCCAAT
GGGAGACTTGCGATGTTGGCGTTTTTGGGGTTCATAGTGCAACACAATGTGACAGGCAAAGGGCCATTTGAC
AATCTTTTGCAACACATCTCAGACCCATGGCACAACACCATTGTCCAGACATTTGGTGGCACAGCCACCCAACC

>trans_s_3507 XM_002881876|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle 14 kDa
family protein, mRNA

TTGGCAAAAAAAAAAAGGCATAATCGTTTTCCCTCTCGCCGTCGCTACTGCATTTTGTCTCCGTTCAACGG
GCGTCGATCGGATCACTTCCCTCGTACCTCTCAAGATCCGCTCCACCCATCTCCATGGTTCTACTGCAGCTAG
ACCTTTTCTCAATGAACTTACCAGCATGTTTGAGCGTAGTACCGAGAAGGGTTCAAGTTTGGGTTACTCTAAAA
CGATCATCATTGAAGTCCAAGGTGCAGAGAAATAAAATGACCACTGCTGGTCAACCTATTGAGTATAGGTGCC
TCATCCGTGCTACAGATGGGAAGAAGACAATTTCAACTTCAGTTGGAGCAAAGATCATCTGAGATTTCAAGC
TTCGTATTCAACCATTCTTAAAGCCCACATGACTGCTCTTAAAAAGAGAGAGAGAAAGGACAAGAAGAAGGC
AGCAGAGGCGGAGAAGGGTCTGAAGAAAAAACCCAGGAAAGTATAAAGGAGGGCTCTTTTTTGTCTCTGT
AGGTTACTCAAACCATTTGTAACCTCCTTCTCTTCGTTACCTTGTTTTTCATTCTTTAACTTGATGAGTGTTATG
CTTCCCCCATATTTCTAGCAAAACGCAGAGGAAAGGGGAGGTAGGATTTTGGAGCTTCAGGAACTGAAAAAT
ATTGATCTTGTCATTTGTTAACACTTTTTTTTTTTCTTAACTTAAAAAGATTTAAATTATACATGTGATTTTACT
GTGGAATTGTCTGGAAGTTTTACATACTCTCTTGTCTCCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3508 NM_106510|Arabidopsis thaliana emb1473 (embryo defective 1473); structural
constituent of ribosome (emb1473) mRNA, complete cds

ACCAATTCCTCAACTGAAAGAGCCACTGCCAGAGCTACAATGGCGATGCTCTGTGCTTCTCCTCTACACCCAC
TTTCTCTTTACATTCTCTCTACCAATGGAACCACAAGTAACAGAAGCATTCCACAAACTCACTCCTTGTTGC
CTTCCACTCCCACATTCAAATCTTCTTTCTTCTAACCAGACCACCATTCTCTAACCTCCAACCTCCAAGAGG

TCGGCCCTTCGAGTGCAGCTCAAGAGCTGGATCGTGTCCCTTTGGAACAACGGTGGATGTTTCGAGGGCGAC
GAGCTCGACGGCCCTGATATATGGAATAAACGTGGTACCCGAAGGCTGCAGATCATGTGAACACAGAAAAA
CCTTGGTATGTGGTTGATGCCACTGATAAGATTTTGAGAAGACTAGCTTCGACCATTGCCAATCATATCCGAG
GGAAGGATTTGCCAACCTATACTCCTAGTGTGGATATGGGGGCTTTTGTGATTGTGGTAAATGCAGAAAAAGT
TGCGGTGTCTGGTAAAAAGAGGACTCAGAACTATACAGGAGGCATTTCAGGGCGACCGGGTGGTATGACTG
TAGAACTTTTGACCAGCTACAGCAGAGAATTCCTGAAAGAATTATCGAGCATGCTGTTCTGGTATGCTTCC
AAAAGGGAGGCTTGGAGAGCACTCTTAACCACTTGAAGGTTTACAAAGGACCAGACCATCCACACGAGGC
ACAAAAGCCAGTTGAGCTGCCAATTAGGGACAAAAGGATAAACAAAGAAAGATAGTATATGAACTACTAGGA
GCAA

>trans_s_3509 FJ901246|Vitis vinifera CBL-interacting protein kinase 18 (CIPK018) mRNA, complete cds

GTGTGTATCAAGTTAAACCGATGGTGTAGGACCCAATTTTCAGCTAATAAATCTTGTACCAAGAGAAGTTAGTG
GTGATCAAATCTTCAGAGGTGAACCACCGCCTAGGAAGAGTTTACGAGAGGTGAGCTCGAGCTTCTCTGTCT
TCTGCTTCTTTTCTCCAGAATTTGGCCTTTCAGCAATCTCAGGGGTCGTTAATTTCTGCTCTGAAGTGGCTACAT
AATCTCTCTTCTCATCCTTACTGTCCGAGAGAGTTTGTACTCCAATTTTTTATTTTCGTTTTTCCAATTTCCACAT
TTGAACCTGCATAAGCTGTTGGTCCCAAAGGTTAAGGACTGCTGCGCACTGGTGATTATTGAGTTGAAGAAA
GAGCATTAGAAGATTCTACATCCATGAGAAGATCAGGTGTAAACCAACCAAAAGTCAAGCGCCTTGTGGAA
AATATGAAATTGGTGAACAATTGGCGAAGGTACATTTGCAAAAGTGAAATTTGCCAAAAATTCGGAGACTG
GGGAACATGTAGCAATAAAGATCCTTGACAAAGAGAAAGTTCTGAAGCACAAGATGGCTGAACAGATAAAGC
GGGAAATTGCCACGATGAACTAATAAAGCATCCACATGTCGTCCAATTGTTTGAGGTGATGGGGAGCAAAA
CAAAGATATTTATTGTTTTGGAGTTTGTTACTGGCGGAGAACTTTTTGATAAAATTGTAAATCATGGACGGATG
AGTGAAAATGAGGCACGGAGATATTTCCAACAGCTTATAAATGCTGTTGATTATTGTCATAGCAAGGGGTGTT
T

>trans_s_3510 NM_001067398|Oryza sativa Japonica Group Os08g0117700 (Os08g0117700)
mRNA, complete cds

ACGGGTTGGGCCCTCAAAATCTTCCATTCTGTCTGCCGATTGTCTCCCTCGTGGTTCCTTCAACCCGTGTTA
ATCCATCTCATTCAACCCGTGTTCCCATTTGATCCCTCCTTCCCTTCGATTCCGATTTCACTTCTTCTTCTTCTT
CTTTTTCTTCTTCTTCTCCTATTTCCCTTCGATTCCGATTTCACTTCTTTTGGTTGCGGTTTGATCTTTGATTT
GATTTTCGATTTTCGATTCTGATTTATGAGGAGAAGGCAGGTGACTTGGGTCTCGGAGAGCTGATTGATGGCGA
CGATTTCGAGTGTGGGTCAAATTTTTCATTGTAATGTTAACCCCACTTCTCAAAGTTTTGCCTTCTTATAATCAA
CTCAGTGAAGCATACCTACACAACCTTTCATCTCTGAAGAAGCTCATTGTTATTGTTCTCCAATCTAATCAGTTA
ACTGGTACAATCTCTGCAAGCTTGGGACGTTTGGACTTGTTAGTGAGACTAGACCTGAGCTCCAATCATCTGTT
TGGTTTCGTTCTTGAAGGCTCGCTGATGCGCCTTCGCTTGAAGTTCTTGATGTTTCGAAACAATACCCTCTCTG
GCAATGTACCTCCTGGTACCAATTGATCTTTAAACCATTTTATAAGGAAGATGTACTTCTTATTTTTGTGTTCT
GTTCATTTTTGTCTTTTACATGAACTAACTAGAACATTGTTTTGCTTTTGTGTTGGATCTGATGAAGCTTTG
AAGAGACTAAATGAAGGATTCTTGCATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3511 GQ917182|Glycine max cultivar Kefeng No.1 rubisco activase (RCA14) mRNA,
complete cds

GTAACGACTTCTCGACGTTGTATGCTCCTCTCATCCGTGATGGTCGTATGGAAAAATTCTATTGGGCACCTACT
CGGGAAGATCGAATTGGTGTGTGCTCAGGAATCTTTAGGAGCGACAACATTCCCAAAGAAGACATCATCAAG
CTTGTTGATACCTTCCCTGGCCAATCCATTGATTTCTTGGTGCCCTAAGGGCAAGAGTATACGACGATGAAGT

GAGGAAGTGGGCTAGTTCAGTCGGAGTAGAGAATATCGCTAAGAACTTGTCAACTCAAAGGAAGGACCACC
AACATTAGAGCAGCCAAAGATGACCCTAGAGAAGCTCCTCGAGTATGGAAACATGCTTGTTTCAGGAACAAGA
GAATGTGAAGAGAGTCCAATTGGCTGACAAGTACTTGAGCGAGGCCGCTCTTGAGATGCCAATGAAGACGC
CATAAAAGGGGCACATTCTATGGCAAAGCCGCGCAGCAGGTGAGTTGCCTATTCCTGAAGGATGTACAGA
CCCAATGCAGATAACTTCGACCCAACAGCCAGGAGTGATGATGGAAGCTGCAATTATGTATTTAGGTTCTT
TTTAGTTGTGAAGTGGAAGGTCATTTTCCACTCATGCTTAATTAGGAAAATACTGTCTCCTGTTTGTATGAAA
ATATCCACCGGTTAGCTTTACTCTATGCTTTAAAGTTGGTGTGGGGTTTCAGTTCTTATTTCTTTGTTTTTACCT
GTTGCCACAATATTGAGATATTTGTTTGTGTTGGTAGATAACAGACTAGTGTCTCAAAGTTTTTGTGATATT
C

>trans_s_3512 AY055105|Arabidopsis thaliana AT3g15190/F4B12_10 mRNA, complete cds

AACCATTCTTCTTCTCCTCAACCTCTGGAGTTTTTCTTTCAAGAATCGCCTATACATAAATGGCGGCAGCTGC
AGTTACTTGCTTCGCTCTTTCTTCTAAGTTCGGAAATCTTCCCTTAATGGTTTTTCTCCTCTATTCCCGCTGCC
CATCTTCTTCCACCCTCAGATCTCTCAGTTTCTCCTCCAACATTTCACTTCCGCCTTCTCCAATGGGTGTCTGTC
GATGAGGAAAAGTCTGAGAGGATGCATCGTTACTCTGTGGTCTGCGAGGCCGCTCCTAAGACCAAAGCTGATTC
TGCTGCCAAGAGGGCACGGCAGGCTGAGAAAAGACGGATTACAATAAAGCCCCGGAAGTCTGAAATTA
CCAGGATGAAGAAGGTTCTGGAAGCTTAGATGGTCTCAAGAAGAAAGCCGAAGCACAATCAGAGGAAGTC
CTTCCAATTGAGAAGCTTATGGCAGAAGCGTACTCCGTGATCGACAAAGCCGTGAGAGCGGGCACGCTGCAC
CGAAATACTGCTGCGCGTCGAAAATCTCGGCTCGCCAGAAGAAAGAAAGCTGTAGAAATCCACCATGGCTGG
TACACCCCGGATTACACGCGGCTGCCTGATGCGCTCTCTATTGAGGAATGAATGTGGAAGATCATTCTATTCT
TTTTTGACGTAGATAAATGTCAACCTTTTTTTTTTTCATCTATTTCTTTACTTTGTATTTAGTTCGAACCTTTTTCT
ATGTCAACCGTTTAAGTTTCACTTCTATTTCTATCTCCCTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3513 BT029386|Arabidopsis thaliana At1g67060 mRNA, complete cds

AATATTCTTCATTTTCATCAATTTTCTTCTCTCAACGCCTATTGCCTTTCTTACATTTCAACCAAACTTTCTTCTCT
TCTACACTTTTGAATCGTCTCTTTGCCTGTGTACCTCCGCCGAGTTTCTGTTAAGGCTCATAGATTGAAGGAGA
ATGCCAAATTGGGAGCTTAGGAATTGCTGTCAACCATGATCAGGTTGTGTTCTTAGTTACGATTGGGGTGTTC
CTGTTGTAATCCTCGCGCTATGGAGGACATTTATAATCACTCCTTTAAAGCTCATTACTGTTTTCTGCACGAAG
CAAGTCATGCAATAGCTTGTAAAGCTTACCTGCGGTGAGGTGGAAGGAATCCAGGTTTCATGCAAACGAGGGAG
GAGTAACTCAAACACGTGGTGGTGCATATTGGTTGATTTGCTGCAAGGATATCTGGGATCATATTTGGGG
AATGGCTATGATTCTCGCATCAACCAATCTTCTACCGCTAGAATTGCAGCGGGTTGTTGGGTTTAGCTCTTC
TTGTTGTCTCTTCATTGCAAAAATTGGACGCTTAGAGGACTTTGTGTTGGATTTATTATTTCTTGCCTGCGG
TTTGGGTTCTACAAGAAACGACTACAGTTCGCATACTTCGTTATGTCACTTTTCATTGGTGTGATGAACAGTT
TGTTTTAGTTTACGATATATATGATGATTTGATTTACGAAGAGTCAACCCAAGCGATGCTGAGAAGTTTGCC
GAACTGTGTCCATGCCCTTGAATGGAATTGGATGGGGAGCCATTGGGGGAATGATATCATT

>trans_s_3514 AY045615|Arabidopsis thaliana At1g68660/F24J5_4 mRNA, complete cds

CTCAGTCGAAGCTCCTTTTACATTTTCTCTGTGAACCACTGAACCTTGCTCTTGCTGCACCAATCACTCTTCATC
CTTCAACACTTCTTCAAGCACGCCGAGAGAAGAGGGCGAGAGAGGCCATGGAAGCTGCAATTTGCGGTCGAG
TACCTCTTTCACCCAACCAATTCTTCACTCAACCAAGCCAGGGGATAAATACTATTTTCATAAACAATGTAGAA
ACCGGAGTGCCTTAATGATGATATCAGTTGCTGAGCTTGAAAAGGTGGGGGGTTGTTGGAAAAACCAACAA
TTGAGAAGACAACCTCCGGGCCGTGAATCTGAGTTTGATGTTAGAAAATCAAGGAAAACCTCTCCGCCTTATCG
AGTGTTGCTACATAATGACAATTTCAACAAGCGGGAATACGTTGTTCAAGTTCTGATGAAGGTGATTCCGGGA
ATGACCCTTGACAATGCAGTCAACATAATGCAGGAAGCCCATTACAATGGGATGGCGGTGGTAATTATCTGCG

CTCAAGTAGACGCAGAAGATCACTGCATGCAGCTTAGAGGCAATGGCCTTCTCAGTTCAATCGAGCCTGCAAG
CGATGGTTGTTGAATAAGAAACATAGATTGTGTAATGTACTCTTTTTCCCCCTTAGTTATCAGCCATATTA
TTGCATGTCCTCAACTGCTACAATGTTGCAAGTTGCACCTATGTACATAAATAGAGATACTTTATAACAAACA
AACTTCAATTGATGAATACAATTATCACTCTAGTTATGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3515 NM_001185483|Oryza sativa Japonica Group Os01g0550600 (Os01g0550600)
mRNA, complete cds

TCTAAGGAAAAACGGTTGGAGGAAGAGATTAAAAAGGGAAGTGACTTAAAAAAGACTGTCTGAAGGCCGA
AAATGTAGTAAAAAATTGAAAGAACTGCTAACCGTGAGGCCCAAAAGCATTCTCTGAACTCTGGAAGCAC
AAAACAGCCTTCATCGAGCTGGTCTCAAACCAAAGGCAACTGGAAGCTGAAATGGCCCGAGCAGTTAGGCAA
GTTGAAGCCTCAAAAGGAGAGCTTGATTGAGTTTATAGAGCAAAAGGAGGAGTCCGTAACGTTGGTTTCAGAAA
CTATCAGCCGAGATTGTTAAATGCGCAAGGATTTAGAACAGAAAGACAAGATCTTGTCGGCAATGCTGAGA
AAATCCAAGCTGGATACAGCACAGAAGCAAATGCTCCTTAAGGAGGTTAAGCTATCCAAGCTAGGAGGAAG
CAAGCAGAACTAGAAGCTGAAAGGTGGAAGACAATTCAGAATCAAGACATGAAAGACAGTCGTTGAGAAG
TATGTTATCCAATCAGGCCAATTCAGGAAACGATGTTCTACAATTGCTGAGAACAAGCTTCAAATACAAGC
GCCTTCTCAAATACTGGGAAGACGATATCGAAGCCAACTGATATTATATAGATTACAATCGTCTGAATCCAT
TGAGTCGAAGAATTTCCCTCCCCTTGCTGAATCAGAATGCCTTTCCCTGAAAGAAATGATGACTCAGGGAGA
ATGATTGATGTGAAGCAGATGGAAGAGTTGGTATGCTCTGAGGCAGAAAAATATGTATTAATGCTTCNAGCA
AGGCATGACCT

>trans_s_3516 NM_102692|Arabidopsis thaliana AWPM-19-like membrane family protein
(AT1G29520) mRNA, complete cds

GACACAATGAACATTCAACTTTAACTCATTCTCCTCCTACTTCATCTTCATCTCAGAAACCTTCTTTCTTCCATAT
AGGCTACTGGAAGACATGAAGGCGATTGCAGCACCGATTTTGTCTTTAATTTCTGCATATGCATCGTCATTTT
CGGAATCGGTGGCTGGGTGATGAATCACCCATAGATAATGGATTTGTTATTGGAGCTGGATTTGATGTTCCC
AACTATTTTTCTCCAATTTTCTTCAAATTGGGAACTCTGCCACTGGGTTCTTTGTTATTTTTGCTTTGATTGCTG
CTGTTGCTGTTGTTGCATCTGCCATATCCGAAAATTTATTTTCGGTTTTCGGACGCTGCCAACCTGCCCCCG
CCGCTTCAACAGCACTCGTAGCCTGCTTCCTAACTTTTCTTGCTATGGGGTTTGCTTGGAAGAGATTGCCATG
ACAGTCACTAGTGGCCACTTGATTGCATTGGAGGCTCTCATGATTGTCCTTTCAGTTACGCAGTTTGTATACC
GCAATCATTGTGTGGACCTCAACCAGCTAGTAGATTCTAGAAATAGCGTTCACCGAATGCTTTGTTGTGGGTT
TGTTTTCAATTTTACTTTTTCTATTATTTGTTTTCTTAAATCAAATCTTGGTCGAAATCAATGTAAAATGGG
AGAACTTGCAATGTATTGGCAGATGAAGTACAGAAGATAATATGAGAATTGGTGTGCAAAAAAAGAAGAA
TAATATTTTCAGTGACTTCGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3517 NM_125964|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein
(AT5G65660) mRNA, complete cds

TCATTCCATTCTTCTTTCCCTTCTTGATTTTGCTTTACCCATTTCCATGACAGATTCCACATGGAGAGTCCCAAT
TTCTCTCCCCCTCACTCCGACCCATCCCGACCTCCTTAGGCTTTCCCTCGGCACTGCTCTTCTCCTTCTCGTTAT
CTTCACCTTGAGCGGAATCTTCTCCTGTTGCTATCACTGGGACAACTCAGATCCCTCCGCCGTTCCACTTCTCA
ACCTTACGCGATCGTCACGATCTTCACCCACAATCACCTCCCTCCAAATCCAACCCTACTCAGGATTTGGAGA
AGAACCAGAGAGAAAGCTTGTCGGTGTTGATGCCTGGGGATTCCATTCCGAAGTTTATTGCGATGCCGTGCC
TAGGGAACCGTTGCGGCCGGAGATGATTGAGGTGAAAGTGGAGAAGCCGTTAAAGCCGCTGCGAATTGCGG
TTCCTTTCTATTAGCCGACTCAGATTCAGATTCAGTTTCACCATTGATTGATGTGTGTATATAGATAGTAAAC
AAATGAATTCCTTTGAGTTTCATCTGTTTTTCTTCTTGTAAGGAATTTCAATGGCTTCCAATTCATTAT

TTTGTATATTTCAATTTACAAGCGTTCATACCAAGTTTCGTATCTGCCTTTGCCGCAGTTACAACTTACGGA
GGAAAAAAAAAAGAAAAGAGAGGAGCGTAATTATTATGAATTAAGCAGTTTATTTTACAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3518 AF227980|Euphorbia esula 60S ribosomal protein L35 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGAAGACTTATGGCTGAGGAACTAAAGTATTACATGGAAATATA
GAGCTGCCTATGGTTTAAAATCAGAGCACATTCAACTTAGCAAAAGATAGAGCTGCCTAAGGTCATTAACCAA
AACCATTTTATTATAACTTGAGAACTAAAGTATTACATGGAAAGAAAGGAAAGACTTCAAAGTTCAAAGATC
TAACAATAAGATTGAAAATAGGCACTCATGTCTGAATAAAGTTATAGATAAATCAAAGCCAAAATGAGTAGA
AGATGCATGATACCACGGAGGATCATCAATCAATTCTCTCTAAGCCTACACCTTAATGGCATACTTCCTCAGTG
GGTAGTACATCTCTTTCTTCTGTCTGCTCCGTCTTTAGAGATTCTTGGTGTGGTGAGCCTTCTACGAATGG
CCCTGGTCTTCTTTGGGCGCAAATCAAGAGGCAAAAGTTTCTTCTTCTGTAAGCTTCCCTAAGAGCAGCCTTC
TGCTTCTGAGAAATCACTGTCAACACCTGAGCGATAGACAACCTCACTACCTTAATTTTGGAAAGCTTGTTAGG
AGCACCACCACTGACCTTAGCGACACGGAGGAGAGCAAGCTCCGCCTTAAGGTCCTTAAGCTGGGCTAAAG
ATCCCCCTTCGACTTTTGTCTAAGCTCATGAACCTTAATTCTCGCCATTAGAATCTGTTAAGCAGAGACCGGAA
GTTGAGTTTTGGGATTCGGCGGTGGTCTTCAAAACCTAGGTTGAAGAACTGAGGAAGATCAAACCT

>trans_s_3519 BT009700|Arabidopsis thaliana At1g15860 gene, complete cds

TCTTCCGCCGTCGATCTCTTTCGTTCCGCCTCAAGTAGAGCAAGCACAAAAGAGCTGGAACGGATCGATAGCC
TATTTTACTCGTACGCCAATCCCACTTCTGGTTTGATCGATCCAGAAGGAATTGAAAATCTTTGTTTCTCAGACATTG
AAGTGGATCACACTGATGTAAGGATCTTGATGCTTGCTTGAAAATGAAATCTGAAAAACAAGGATACTTTAA
CCTGGATGAATGGCGAACAGGCCCTCAAATCCCTGAGGGCTGACGCTGTTAGTAAATTAAGAAGGCACTACC
AGATCTTGAGAAAGAGGTAAGGAGGCCATCAAACCTTTGTGGAATTCTATTCTTATGCATTCGGGTATTGTTTAA
CAGAGGAGAAGCAAAAGAGTATTGACATAGAGAGTATATGCGAGTTACTGGATCTTGTTTTGGGGTCTCAGT
TTCATTCCTCAAGTCAATGCATTTGTTGAATACTTGAAGATACAACTGACTATAAAGTTATTAACATGGATCAA
TGGATGGGCTTCTTTCGATTCTGCAATGAGATTAGTTATCCAGACTTGAGCAACTACGATTCGGAACCTCGCTTG
GCCGTTGATCCTCGACAATTTTGTGAATGGTTACAAGCAAAGCAGAATTAGAAACCTGATACAATGTATTTTG
ATGTATACGCCACGGTTGTTGAAGCAAGTATCCTATTAATTTCTCATACCGATTAGATTGATTCAATATTTAA
AGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3520 AB490003|Citrus lanatus subsp. vulgaris CitAuR mRNA for auxin-repressed
protein, complete cds

TTTTTGAACTCTTTGTAATCAAGATTGGATTATCACAATTTAAGGGCTATCAACATCATAAAATATCAACTCAT
TAGAAGGAAAGAAAAAAAAAAGGAAGAGAAACCATATTTATTTAAACGACAATCATGAGCCACTTATCACCGC
CGTGACGCGCAACCATATGAAGTAGTCATCCGATCATTGGCTGTGTGAGCAGACTTAAACCTTAATTAATA
CAGACTCACACAAATTCACACTACAATATAAACTTGCTTGGAACCTCGGATGCTAAAAACCTAGTTAG
AACATGTAATATCACATAAACATCCAAAACCCACCGGTCAACGTCACCAACACGACCTTTTACGACACTATT
TACATTCAACCGCCGTCGTAGCCGCCACTTAACGGTGCTCGCTCTTGGTGTCACCGCTGTAGAGCCAGTCGTAA
ACAGTTGGAGAATTGGGTTGAGGCTTGTCGAAGACTTCAGCACCAATAGTCTTGGTAGCAAAGTTTCTACCA
GGTTGAAGACGCTTCTCAAACATTATCCTTACGCGCCGCGTATACACATGTGTAGGTGTGACCGGAGTGGT
GGGTGTCCCGGACTAGCTGGCATAGACATGGATCTTGGTATTTGCTTCCATCTCCTTCAAATCTTTAACGA
TCAAGGGCTTAGTACTGACTTTTCTGAGCTTGCCGAGGCCACGGACAGGCTGAGGTCCAGCCACAACATCATC
CCAAAGTTTCTCAAGCAGAACCATTGTTTTCAACTTCTTCACTTCCAAGTTCCAACCTTCGTTTAGAACC

>trans_s_3521 NM_001053955|Oryza sativa Japonica Group Os02g0613600 (Os02g0613600)
mRNA, complete cds

ACCTTCCGAATTGCTACTCAGAATGGCGAACACAGCTTGTTTCATCATCGTCAGTAGGAACAATATCCCAATTT
ATGAAGCTGAAGTCGGATCTGCTGTTAAAAGAGAGGATTCCGCCAGCTGCATCAATTTATATTGCATGCGTC
CCTTGACATTGTCCAAGACCTGGCATGGACTACTAGTGCCATGTTCTTGAAAGCAGTCGATAGGTTCAATGATT
TGGTGGTGTCTGTCTATGTAACCGCTGGTCATACGCGATTGATGTTACTTCACGACTCTCGCAATGACGATGG
AATCAAGAGTTTTTTTCAAGAGGTTTCATGAGCTTTACATAAAGACTATACTCAATCCTCTCTACTTGCCTGGATC
CCGCATCACGTCTTCACATTTTGACACAAAAGTTCGCGCACTCGCAAGGAAGTATCTCTAGTCATCACCTTCATT
GCAGACCAAATGTGCTTTCATGACAATGCTTCGAAGTTTATAGTAGCCCTAAGTTTTCTTTAACTGTACAACAT
TTTAATCTTTGCCATTTGTGGTCCTGACATCAATCAATTCAGTAGTTAAATAATTCTCAATGTGTAATATTGACT
TTGGAATGGCTTGTTACGAGTTGGAATTGCACTTCACAGTAATGCGTTTTGCCCTTTTTACTCATCTTTTGTG
TAGAGAGTACTATCATTATTTGTTGTTATATTCTATAAGGCAGTGGATATGGGATATTAAAGTTGTGGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3522 AB079577|Suaeda japonica mRNA for RelA homolog, complete cds

TTTGGGTTTGCAGCTCATTGGAGATACAAGGAAAGTGATTCTAAGCACTCTTCGTTTGTGCTTCAGATGGTTGA
ATGGGCTAGATGGGTTCTCACCTGGCATTGTGAAACCATGAACAAAGATCGACCTTCTATTGGTTCTGTCAA
CCACCCTGCAAGTTCCTTTTCACTCGTCTGATTGCTCCTACTCTTACAAACCTCGCTACTTTCAGGATGGACCT
CTGTTTGTCTAATGATTGAAAACGAAAAGACGTCGGTCCAGGAATTCCCAGCTGACGCGACGATGATGGATC
TTTTAGAAAGAGCACGAAGAGGAAGCACAAGATGGGCTCATTATAGGTTCCCGATGAAGGAAGAGTTGAGA
CCAAGACTGAACCATGAACCTGTGAGTGACCCCAAGTGCAAGCTGAAGATGGATGATGTGGTGGAATTGTCC
CCACCAATACCCGACAAGTTGTTGGTTGAATACCGGGAAGAAATCCAGCGAATGTACGAGGGAGGCTTTACT
GTAGCAACACCACAGCCTGCGGGTTGGAGGAGCTGACAGTTGTTTCGTTGCTCCTATGCTATGATTACCCAC
AAATATCATGCTCAAATTGTGGATCAGATTCTCTGTAGATAATTATAAATATTTGTACATATCTGGTATGCATT
CAATGTAATCGGGTTTCAACTGTTATGATATATGCTTTAGATTACTACTTGTGATGTACTGATTATTAGCATTTG
CTATGTTTATATAATTTTATTTGCCTTTTAAGGATTTCAGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3523 AY295341|Cucumis sativus poly(A)-binding protein C-terminal interacting protein 6
mRNA, complete cds

ATCCTCATCCCTCATCGACCTTCAAATTAACCAACCAACCCAGTGGCTATGGATGTTGTCACTCAAAGAACTC
CTCTTCTCCGTTTCCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTGTTTCGTTCCCATGGCGTATAGGACGGTCGAGGATTT
CTCCGACCAGTGGTGGGAGCTCATCCAGTCCTCCCCCTGGTTCCGTGAGTACTGGCTTCAAGAACGCTTTCAA
GATCCTCAAAATGAACTTCCGTTTGGTGAAAATGAAGAATTCGTCCTTCCGGATCTTGAAAGTTTCTTCGATGA
CTTCACTCGCCAACGTAACCAACGAAATCCAGTCATCGAATCTGTCTATTGTTTTCTTCTCTTAATCGAGCTT
ACTAATTCGTTGTTTCTTTGTTTTCTTCTTCAGAGGAAGAGGAAGAATTGGAATTCTCGAAAGACTTAGTTCC
AATGGGAGCTTTCAAATGGCAGAAGGCTCGGTCTGGAGCGGAGGTTCTAAGTATGCTCAAAGGCTCCCAA
GATCGTGAAAGTGAGTCCGAGAACGATTACCAACCGAGATAGATTTTACGCGCCCAATCGAGTAC
GTTTCTTCATCAGAACTCAAGAACCAGTTTGAATTGTTGTTGATCTAGGGTTTTCCATTTCTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGATGTACAGAGTCTAGAACTTGATCTGTTACATATTAATCTGATGAATCTGTGTTT
AGTTCTTGAAATTTGAACCAAGTCTTACTTTTCGATTATGATAAAATAAGAGATGTGGAAGC

>trans_s_3524 XM_002888885|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA recognition motif-containing
protein, mRNA

TGGAGATATGGACTCTGAGAAAAAGAGGTAGACTCCCCTATGATTATTACGGATTGCGAATTCCTCGAAATC
AAACTGTTATAGCGGCTTTCGGGTGAAACGCCGGAGAAGACGAAAATGACCGCCGGCTTGTCTTTCACGGTC
ACAGCTGCTCCAAAACCTTCTTTCAGCTTCAGACTACTCATCAACAATATCCGTTCAACCGAGACGCATAT
GCGATTTCAAAGCTTTCATCCAAATTGGCTTACAGTTCTACGCCACTCCCCTTCTTCTCTGCGAGGAAGACTCA
ATCAATTTAGAGTCACCGCTCTTTCAGTGGCATGTGTCTTCTTTCACCTTCTCCCAGAAGATACTCGCCTTC
AACCAGACTCTACGTCAGTGGACTTTCATTCCGGACCACTGAAGAGAGCTTGCAGAAATGCTTTCAAAAGCTTT
GGCCAACTTGTAGAAGTCAATCTGGTGATGGATAGAGTAGCCAATAGACCAAGAGGATTTGCCTTCCTCCGTT
ATGCTTCAGAAGAGGAGTCTCAAAAAGCTATCGAAGGAATGCACGGCAAGTTTCTGGATGGCAGGGTGATTT
TTGTGGAAATTGCAAAATCCAGATCGGAGCTACGCCAAGGCCTTAAAGAAAACCTCTAGCTAATGCATGCTAGT
ATATAGGCATCATTGTACTCTAAAGTTCAGATTCAATTTTATGAGAGCTGTAACATATTTTAGGGATATATATAA
CTAATGGTTGCGCTCTGCATTGTTATTGGTTTTCAAAAGCTTGGTCTGATTGTATGGTTATAATAATAGT

>trans_s_3525 AY108375|Zea mays PCO088737 mRNA sequence

CAGTGTACATTATCACGGAAGGAAGTGAACCCCTTTCTTCACACGATTTTTTAAATGGGACTCTGCAAAGTCC
TCGATGCACGGAACTCATTCCAAAGGAACTTACAATAGTCAAAAGTGGGGGCACTCCTACTGTAGATAAAC
CAAAGCGAAGAACACCAGTATCGTATGGTGGGAGATCTGCAGTGCCAGACAAGTCACAGCGCTCTAGGAGCA
TGTCTTTTAGTCCTGAAAGGGTTCGTGTAAGAGGGAGGTCTCTGCTTTCATGCATTGGCTGCTAACTTCGAG
AACCCCAATGCAAGAAACCTTCACTCCACCCCTGTTGTTAGAAAGATCTATCCGAAATCAATGACCCCTGA
TTCAGCAAAATTAGTTTCTGCAAAATCAACGTCGATAGCAGCTCTTAGTGCTAGCTTTGAACAGCCACCACCTG
CTCGAGAAGCTATTATACCACGTTCAATAAAAGTGACTCCAGAGCCTCCCAAGCCTAAACCAGAGACTAATAA
TAATGATAAACCGGAGACTAATGATAAGGAGAAGGAGAACGCAAAGACAGTCAGAATTGAACTCTCACCAT
ACAAGAAGATGTGAAAGAAGGTGAGGCTGAAGATGATGATGGCCTCACAATATATCCATATGAGCGCCTAAA
AACTACATCAACCGACCCTGTTTCAGACATTGATGTGACAAAACGAGAGACTTACCTCTCATCAGAAAGAATC
AGGCAGAAGTTTGAATGACTAAGGACGCATTTTATAAGTTGCCAAATGGGAAACAGAATAAGCATAAAT
GG

>trans_s_3526 AB032245|Cucumis sativus psbP mRNA for 23kDa polypeptide of the oxygen-
evolving complex of photosystem II, complete cds

CTCACATACACAAATCCTTCCAACATTATTCTATACCCACTTCCCAATTCTCATTGCATTTACAATCATTGTTCT
AACTCACTTACAACCTCCATCAATGGCTTCCACCTCTTGTTTCCTTCACCACCACGCCCTCACCGCCGCCGAAG
GTCCTCGTCTTCCCACGCCAGGTGGCCCCGCCAAGTCTGCCAGCTGCTCGTCTGCCGTGCCGAGAACGAG
CAACCCGCTCAGGAGGAGGAAGGTGGTGTGTATCTCGTCGATTGGCTCTCACTGTCCTCATCGGTGCCGCTG
CTCTTGGCTCCAAGGTTTCTCCGGCTGATGCTGCTTATGGAGAAGCTGCCAATGTGTTTGAAAGCCAAAGAC
CAACACAGATTACTTGCCATACAATGGAGATGGATTCAAGCTTTCAATTCCTTCTAAGTGGAATCCAAGCAAA
GAAAAGGAATTCCCAGGCCAAGTTCTTAGATATGAAGACAACCTTTGATTCCAACAGCAATCTCAGTGTAATTA
TCAACCCAAGTACAAAGAAAACCATCAAGACTTTGGCTCCCCTGAAGATTTCTTTCCAAGGTTGACTATTTG
CTGGGAAAGCAAGCCTACTTTGGAAAGACTGCTTCTGAGGGTGGGTTTCGACCCGGACGCAGTAGCAACAGCA
AACATATTGGAGGCTACAGAGTCCAACGTGAATGGAAAGGACTACTACTTCATATCCGTGTTGACAAGAACTG
CAGATGGAGATGAAGGTGGGAAGCATCAGTTGATCACAGCAACTGTGAGTGAGAAGGGATCCCGTGCCTG

>trans_s_3527 NM_127537|Arabidopsis thaliana clathrin adaptor complex small chain family
protein (AT2G19790) mRNA, complete cds

AGATTTTTGGTGC CGCGCTGAGTGT CATCGAGATTGTGAGAAGCAGAATGGGGATCAGATTCA TTCTCATG
GTGAACAAGCAAGGCCAAACCCGCCTCGCTCAGTATTACGAAAATCTTACTCTTGAAGAACGTCGAGCTCTTG

AGGGTGAAATTGTTGCGAAATGTCTCGCTCGTAACGAACAACAGTGTTCCCTTGTGCGAGCATCGCAACTATAA
GATTGTATATAGGCGATACGCATCTCTCTTTTTCTGGTTGGAGTTGACAATGATGAAAATGAACTGGCAATAT
TGGAATTCATTCACCTTTGGTTGAGACCATGGACCGTCATTTGGGAATGTGTGTGAGCTAGATATAATGTTCC
CATCTAGAGAAAAGCACATTTTCATGCTGGAGGAGATGGTCATGAATGGGTGTATTGTAGAAACAAGCAAGTCA
AACATTCTATCCCCAATTCAACTGATGGAGAAATCATCATGAAAAGCTACCACTTGTTTTCTTTGATGCAAAATC
TTGGCTGTCTTTACACAGTACTTCATTAAGGTATAAGATTAATGTCAATGAATTCATTTGATGACGTTCAAAAT
GAGTAAATATTTGAATCTAATTTTCGTTCTCGATGAATTCCTTCATTCACACGGAGAACAATATTTTAAGTTTAT
CACGTGTTAATTTGTAATGAGTGCACAAAGATGGATACAATTTGAAATGCAAATATTTTCAAGCTAAATAAA
GCTCTAGGATCCATTTGGAIAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAACAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3528 DQ147066|Zea diploperennis isolate d1_F ribosome inactivating protein 1 (rip1)
gene, partial cds

GGGCTATTATTATCTTCTACTACTTACTTATTATTATCTTCTACTACTTACTCAGTACTCACACTCACTCCCACCAA
CAATGTTCTCTCCTTCATTCTGCTGTTTCCACCCCTCCAACACCCCTAAAACATCCCCCTGTTCTGGCTCAAATC
CACCGCCCTTGAACCTCTCTCACTTACTTCGCCGCTGCCGCTATTTCTTGCTCGGGTTGCTCGTCGCCGGACAAA
CTACCTTGCTCCGCTGACTTTTCTACGATTCTTCAGTTATGCCCTTAATTTGACGACGATTGCCGTGACGA
CCATCAGTTCCCCTTCAGAGATTTACGGCTAGATCCCCCGCCCTCAAGGACCGTCTTCGGCGCGCTACCA
AATTCGCCGGTTCTCATCATGAAATCCCCATATCCCCCTCTCGTTGATTCATTATACCACCGATTTTGAGATTTT
GTTGTAAATCCCCCCTACTGCCAGTGGAATTGTAATATCATATCATATATACATGGTAATTTCTTTTTCTT
TTTCTTGTTTTTCTTACTTGGGTGTTGATGAAATAAATATTCAAATCGTTTTCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAACATCTTAGAATTATAATCCCAATAAAGGCATTTTTTTTTCTTTTTTTGGAGGGGGGATGATTGGGGAA
AATCTATTTTCAATCGAACAACAATCTTGACTCAAAAGTGGAATGTAATTGTATGAACAAATGTATTATTAT
TATTGGTTAATTAACACGTTGATTAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3529 NM_129014|Arabidopsis thaliana JAZ7 (JASMONATE-ZIM-DOMAIN PROTEIN 7)
(JAZ7) mRNA, complete cds

ATTTTCCATCCGCAATATCCAATTAATCTCCTGCCAATCTCTTTCTTTCTTTTGTGTTTTCTTTTTCTTCTTTT
TTCATCTGGGTCTCTCGATCTTCTCAAATTTGCTCTGTTTTAATGGCGGTTCTCCCCATTTCCATGGACCAAAAT
TGCAACTTGGAACCTTCGTCCTTTCTCCTTCTTCTTCTACGTTTCTCTCTGATCGTGATTCCGGCGACCACCTCACC
ACAGCCACCTCGTCTCCACCAGTTCTTGATGATGAATGTAACAAAATTCTCAGCAGCAGATGACCATTTTC
TATAATGGTAGAGTTTGTGTTGCGGATTTTACAGAGGATCAGGCTAAAGCTATAATAATGCTTGCATCAAGAC
ACGTCGAGGAGAGATCGACAATTCCTCAACAGAAATTGGAACCTCGATCTACGTCGCCGGAGCAGTGTCATC
GCGAAGCTGTTTCTGGTTCTGGTTCCGTTCCGTTCCGTTCTGGGCTCTCTATGAAGCGATCTTTCAGAGG
TTTTTACAGAAAAGGAAGAACAGGATTCAATCTGCTTCACCTTACAATCATTAACCATCCACTGATCCACTTTCT
TCTTTTTCTTTTTCTTTTATTATTTTTCTGAGATCTGATTGATATATGTAGCAACATTTAGACTTTTGCTTTGTAA
AGAACTTACTTTTCTGCAGCTTCTTCAATGAAAATTTTGAAGATCAAAAAGAGAAAAAGGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAACTTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3530 NM_100636|Arabidopsis thaliana PLL5; catalytic/ protein serine/threonine
phosphatase (PLL5) mRNA, complete cds

AGCATTCACTTCAGCAAACCTTACCGCTTTTCAGCTTTCATGGATCACAGTACCAGTGTTGATGAGGAAGTGC
AGAGAATAAAAAATGAACACCCTGATGATGCTGGTGCCGTGATGAACGATCGTGTCAAAGGCTCGTTGAAGG
TACTCGAGCGTTCCGGGGCTGGTTTCTCAAACAGCCAAATGGAACAATGCATTATTGGAATGTTTCAAGT
CGACTACGTTGGGAGATCGCCATACATCAATTGTTTACCATCTCTCTACCACCATAGATTGGGACCAAAAGACA

>trans_s_3531 EU165371|Glycine max alanine aminotransferase 1 (AlaAT1) mRNA, complete cds

>trans_s_3532 NM_106040|Arabidopsis thaliana calmodulin binding (AT1G73805) mRNA, complete cds

>trans s_3533 NM_127829|Arabidopsis thaliana BRK1 (BRICK1) (BRK1) mRNA, complete cds

AAAAGTCATGAAATTGAAAGATTAAAGAAGAAGGAATTATTTTTGAAGAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAA
 AAAAAGGAAAAATCAAAATCCAGTTTTGATCGGAGAGAGATATTTGTGTGTGCAGCTACATAATATAGTTTGGT
 GAAAATGGTAACCAACAATGAACTCGCTTTCGGGTGGTGGTTTGTTTATGTTATGCTATATTGAAATTTAGAG
 CTCAAACCTTGCCTTCCCCTTCAACACCGATTTCAACCCATCTTCTTATTTGAGTTCGCGCCATACAGAAAGATC
 TCTTCTCATGGCTAGAGCTGGAGGAATTACCAACGCTGTAAACGTAGGGATAGCGGTTCAAGCTGATTGGG
 AGAATCGCGAATTCATCTCTCATATTTCCATCAATGTCCGTCGTCTTTGATTTCTCTCGTCCATTTGAGGCAA
 CAACAAAAAGCAAGTTGGCATCTTTGAACGAGAACTTGATACCCTGGAGAGGCGGCTTGAAATGCTTGAAG
 TGCAAGTCAGTACTGCATCTGCTAACTCATCTCTTTTACCACTTAATGTTTACTTTACCTTGATAAAGAGACAT

>trans_s_3534 EF137905|Helianthus annuus plastid enolase (ENO1) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

>trans_s_3535 NM_001064473|Oryza sativa Japonica Group Os06g0581300 (Os06g0581300)
mRNA, complete cds

```
>trans s 3536 BT011247|Arabidopsis thaliana At1g10020 mRNA, complete cds
```

[illegible]

>trans_s_3537 EF464674|Gossypium hirsutum GDP-mannose pyrophosphorylase mRNA, partial cds

CGCCAAATTAATTACCCATTTGTGTAGATTTCTGATTTTTTCATTTCTTACATCGAGAAATCGCAGTTTATTTCAA
GGGATTCTTGATTTTGAGATTAGCTCATTAGTGGGTTTTGGGATCTGTTTTGCTTCGATTAACGATGGGGGGC
ACAGAGGAGAAGGTTGTAGCTGTGATCATGGTCGGCGGTCCCACTAAAGGAACTAGATTTTCGACCTCTGTCAT
TGAATATTCCCAAGCCTCTTTTTCCTTTGGCTGGACAACCAATGGTTCATCACCCAATTTAGCTTGTAAGGA
TTCCAAATCTGGCTCAGATTTTTCTTGTTGGTTTCTATGAGGAGCGTGAATTTGCATTATATCTATCTTCCATTTT
TAATGAACTGAAAGTTCCTATTAGATATTTGAAGGAACAGAAGCCACATGGTTCGTGGTGGACTTTTTCACT
TCAGAGATCTGATCATGGAAGACAGTCCGGTTTTCTCACATATCTTCTGCTGAATTGTGACGTTTGCTCGAGT
TTTCCACTCCCGCAAATGCTAGATGCTCAGAAAAGTTATGGAGGGATGGGAACAATCTCGTAATCAGAGTAT
CGGCTGAGGCAGCTCACCAGTTTGGAGAGTTGGTTCAGATCCAACAACAAACGAACTACTTCACTATGCGG
AAAAACCCGAACTTTTGTGAGTACCTCATTAACTGTGGCGTTTACATATTTACACCAGAAATATTTTCTGCAA
TTCAAGGCGTTTCGACGCAGCGGAAAGAGAGAGCTAACTTAAGCCGATTGTCTAGCTTTGAAGC

>trans_s_3538 AY103807|Zea mays PCO130571 mRNA sequence

ACTTGAATGAAATCAAGGATTCCGTCGTTGCTGGTTTCCAATGGGCGTCGAAAGAAGGTGCATTGGCGGAAG
AGAACATGAGAGGCATCTGTTTTGAAGTTTGTGATGTGGTGCTTCACGCTGATGCCATCCACAGAGGAGGTG
GTCAAGTCATTCTACTGCTAGAAGGGTAATCTACGCTTCTCAGCTGACTGCCAAACCAAGACTTCTTGAGCCA
GTGTACCTAGTGGAGATTGAGGCTCCCGAGCAAGCTCTTGGTGGTATCTACAGTGTCTTAACCAAAGCGTG
GGCACGTCTTTGAGGAAATGCAAAGGCCTGGCACACCTCTTACAACATCAAGGCATATCTCCCTGTCATCGA
ATCATTTGGATTCTCGAGCACTTTGAGAGCTGCAACTTCTGGACAGGCATTCCACAGTGTGTGTTTGACCATT
GGGAAATGATGTCTTCGGATCCATTAGAAAGTGGGTCTCAAGCTGCGCAGTTGGTTGCTGATATCAGGAAGA
GGAAGGGGTTGAAGGAACAAATGACTCCGTTGTCCGAGTTTGAGGACAAGCTGGAGATTGCAATCGCATTGT
TGGTTAATATATTTAAGAATCGCCATAAATCCGCAGGTTTGAGGTTCTAATTTCTATGGGAAGTTTTTGTTA
TTTGAAAAAGATTGTTGTTATGTTTGAGTATTTTATTTGCAATTATTTTAAGAACTGTTGTTACTCCATTCTTT
TAAAAGATGCGTGATGATGGGCAAAATTTTGGAGTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3539 GU726894|Humulus lupulus microsatellite 3n4-cDNA-J8 sequence

ATGGTGAGAGGTCATATTTCTCCTGTGGGGAACCTATTATCATTTGTCAACCAATGCTTCTATTTGTTAATAT
TTTCATCATAACACTCTTTTAAACTTTTTTAAATGTTGCAAAAGTAGCTGGGAAGCTCATATTATTTGGTGAAA
GGTGATCTCCCAGGTCTTCAAAGCTTGATAATTTGTGCTCCAAGGTTCCATCAAACGCTTTCAATCCAAC
CCTGAATGATCTAGGATTTGAAGATCGTCGGGAAGTATTTCTTAAATTTCTGGCATCTCCAAGGTGTTTTTT
GAAGTTCAATGGAGATGTTACAATTATCAAGCAGGCTCATATCAATTGGGCACTTGTTCGACTCCGGCAAC
CCTGAGGTGTTTGAAGTTGATGGAGATGTTAATAATTCTCATGAAAAACAATCCTGCAAGGCTTGAAGATGG
GTGATGGCTTGCTTTGAACTTTTGTGCAATTTATGCATCTTTGTCAAATCCTCCTTACATGTAGGTGTTGTAT
CATTTTCTGGAAAGACAATCATGCAAGGGTTGGAGATTAGACGGGTGATGGCTTTCTTTTGAACTTTTGTGAA
AGTCCATACATTTTGTGAGAATCATCCGTACATGTAGGTGTCTGGTATAACTATGAGATGCCATTTAATACG
AAGTGTATATTTGCCAAGGATTGGTGGAAAGCTGTTATTGAATTCTGTGAGAGTTTATTTCAATTTTCGGTAAGA
GATATATTGATATTTGTTTTGACTTCTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3540 XM_002329083|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription factor (ERF50), mRNA

AAATTTAGTTTACATCAATTTCTCTCTCACTATAACACCTAACTCTCTCTCTCCACCGCTTCTTTTACAATATG
GCTGCCGGAGACCGGTGACATCCGCCGCGCCGCCCAATTCAAAGAGACCCGCTACAGAGGCGTCAGAAAG

AGGCCGTGGGGTCGCTACGCTGCCGAAATCCGGGACCCACGTAAGAAGACTAGGGTTTGGCTTGGCACATTC
AATACTGCGGAAGAAGCGGCGCGTGCTTACAACACGGCTGCGCGTGAATTCAGAGGCGCAAATGCCAAAAC
AATTTCCCTGTTCAAACCATTTCTAATCGTTGATAACAACCACACCAACTTCATAAATCCGCTTGAGTAGT
AGTCCCAGCCACAGCAGCACCGTCGAGTCCTCTTCCCATCGCCAACGCCGTCGAATCCTTACCTCGACGGAG
GCATCCACGCGCCAGGCATTTCCCGTCCAATTTCTTCTCGATGCGTTTGCTCAGGCGGAGAAGATCAGTGAC
TTTCGTCGTACCGTTACCGCCGCCGCCGGTGCAAGCGACTCCGATTCGTCATCTGTAGTTGATTTGACAC
TACGCGAAAATCCCGGCCGTTGGATTTGACCTCAATCTCCAGCTGTGGAAGTTGTTTGAGGATCCGTGTTTT
TTTTTCTTTTTCTTTTTCAATTTGAATTTGAACTAATTTCTAATTTAATATCCGTAAAATCCATTTCAAGGATTG
AATGAAATATTTCGACCAGAATGAGATTAGAAATATATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3541 XM_002892160|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thioesterase family protein, mRNA

ACCGTATGAAATTGGGAACAGGAGATTAAGCTTACAGAGTCAGTGGTGATGGAGAAGACAAAGAGATACCT
GGAGAAGCTTGGCGATGATGCGTCCGCCATTGATGTCCTTCCCTTCAGGTTTTATGAAAACCTCATTATGACTG
GTATTCGCGTTGATCTCATCAACCTGGTCGTATCCTTTGCTCTCTCAAAGTCCCTGCTCGTTTGCTCGTGCGTG
ATTTCTCTCAATCCACCCTTCTTCTTTCGATTCACTTCTAATTAGATCTCCACACTCTTTATTTTACCTATTCCT
CTCTCTCTTAAATTTTATTTCTCTGTTTACTTCTTCATGTTTCACTATTGGAGATAGAACGAGAACATTCCTTG
CACGGAGGTGCTTCGGCCTCACTCGTCGATTGTATTGGTTCTGCAGCGTTAAAGACTTTGGGCGCTACCACCA
CCGGAGTCTCCCTCGAAATTAACCTCTCCTACTTAGATGCTGCTTATCTCGATGAGGAGATCGAGATCGACAGC
AAAGTTTTGCGCATGGGAAAGACCATAGCAGTAATTAATGTCAATTGAGGAGAAAAAGCAATGGTAAAATT
ATTGCTCAGGGTCGCCACACCAAGTACCTTGCTTCTCAAGCAAGTTGTAGTTATAAACATCTTTCAGTATTTTG
ATCTTGATTGCCAAACCATATTCCTCTGCTTCATGAATTGACATTGCAAATTACTTTTTGTAGCTTCCACTGAAA
GAAATGTAACGATAATAATCTTTCTAGACTTTGCTATTGTATTAATTCGTATAATCTGT

>trans_s_3542 AB273718|Nicotiana plumbaginifolia NpLRX1 gene for leucine-rich repeat/extensin,
complete cds

AATCCGTCTGAGAATGTTTCGGTTTCGGATCCTGGATCGCCTTCCCCTGTTGTGCCGTCGGCGACTTGTGTGAC
TTCGATGCCCAATCTTCCCCAGTTAAAACCCGTCGCCGACACGCCGTCGCCGAGGGCGGAGCCGGTTGATAAA
ACGCCGGAGAATTGTGAACCTCCGGCTATACCTTTCTCTCAACCGCCGGGGTATCCGAATAGCCCGATGATGC
ATTATTTCCCGGGAACAAATTATCCGGGTCAACCAACAGGTTGTATACGTTCTTCCCGGACAGATTCCGCCT
GGAAATGTTCCGGTCCAGCATATTCCGATCCAGACTCAGCCGTCGTACGTTCAACAGTTCCAACCGGTGGGTG
GCGGTCAAGTGCCCTTAGCATATCACCACCCAGTTACGATGGGCGGTCAAGTGTACGGGGGAGGAATGGGTG
CGGTAAGTGGTTATGATCCACAGGCGGAAGCGGTGAGGATGGCTGCTGATGGCGTAAGTCAGCAGATGTATT
ATGGAGTCCAAAATGCTGCGAGGGCTCCGCCGTATGCGATGGGTATGATGGGAGGTCCGGTGGCGGAAGAA
GCTCGGGGAAGTGGATCGGAAACAAGAACGGGTAGCAGAGTATCGCCATAGCAATAGCAAGAGAGGGTTG
AAAGTGAATTTGATTAAAATTGGGATTTGTAATTAGTGGTTAATTTTGGGTGTTGGGTGATTGATTAAACCCAT
AATGTAAAATTGGTGTTTTCAAGCTGCAAATACCATATTTTACTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_3543 GU082332|Triticum aestivum cultivar Xingzi9104 elicitor responsive gene 3 (ERG3)
mRNA, complete cds

ATCTCGCCGCATCCTTTCCACGCTCCACGCTGTTTCTCTCTCTATAAATATATACATTTCAACAAATAATTCT
CTTACAAATCCCAATTCATCTGAAAGGATCGAGATCCAAGGCAGTAGGGACACAAATTCCTGCTCTTTCTTCA
AATCTCCAAAATGCCCGCCGGAACCTTGAGGTTCTTCTGTTTCCGCCAAGGGCCTTGAAAACACAGATTAC
CTCTGTAACATGGATCCCTATGTTACTCTTACGTGCCGCTCACAGGAGCAGAGAAGCAGCGTTGCATCAGGAA

AGGGATCTGACCCTGAATGGAATGAGACATTTTTATTACCATATCTGAGGGTGCAGAAGAACTTATCCTGAA
GATATTGGACAGCGATTCTGGCACGCAAGATGACTTTGTTGGTCAAGTAAAAATTCCACTGGAACCTGTATAT
CTTGAAGGAAGCCTCCCAGAAACAGCATACAACGTGGTTAAGGATGAAGAATACCGTGGAGAGATCAAAATT
AGCCTTAAATTTTCTCCTGAGGAAAGGACTGAAAGAAATTTTCAAGTGGAAGAAGAACTTATGGTGGATGG
AAGCAGTCTTCATTCGCAGATTGAGAACCACCACCGCTCTATGATTGTTAATTGTATGGTTTGAGAGAATTCGT
ATCCTATTTATGTTGAGAGATTAAATTTTGTATGTAAAGAACTGCTTTGACGTTGATGGCTGGATTTTTTTTGC
TTATGTTGAGCTGGAATGCACTATCGAATGTCTGGAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3544 AF134732|Prunus armeniaca 60S ribosomal protein L1 mRNA, complete cds

AATCTTTCCCTTCGTTTTCTCCTCTGTTCTTCACTTCACACACAATCACTCTCTCCAATGGCCGCTGCCGCCCC
CCCCCTGGTCTCCGTCCAGTCCCTTGAAGGGGACATGGCTACCGATGCAGCGCCACCGTCCCTCTCCGGAC
GTCATGAAGGCTTCAATTCGCCCGGACATTGTTAGCTTTGTCCACTCCAACATCTCCAAGAACAGCCGTCAGCC
TTACGCCGTCAGCAAGCGCGCCGGTCAACCAGACCTCCGCTGAGTCTGGGGTACCGGACGTGCTGTGTCTCGT
ATTCCACGTGTTCTGGCGGTGGTACTACCGTGCTGGTCAGGGTGCTTTTGAAACATGTGTCTGGTGGTC
GAATGTTGCTCCGACTAAGATCTGGCGCCGTTGGCACCGTAAGATCAATGTGAACCAGAAGAGGTATGCTG
TTGTGTCGGCTATCGCTGCCCTCGGCTGTTCCATCGTTGGTCTTGCTCGTGGTCACCGAATTGAGTCTGTCCCT
GAATTGCCCTTGTGTGAGTGACTCGGCTGAAGGTGTTGAGAAGACCTCTGCAGCAATCAAGGTTCTTAAAC
AGGTTGGGGCGTTTCTGATGCTGAGAAGGCTAAAGATAGCCATGCGATCCGTCCTGGTAAGGGTAAATGA
GGAATCGTCGTTATATTCTCGTAAGGGTCCATTGATTGTTTACGGAAGTGAAGGTGCTAAGCTCGTTAAGGC
CTTCCGTAACATTCTGGAGTTGAGATTGCTAACGTCGAGAGGCTTAATTTGTTGAAGCTTGCTCCTGG

>trans_s_3545 BT024736|Arabidopsis thaliana At4g25030 mRNA, complete cds

AATTACAAATTACAATTGCTCTGCTTTTGCACACTTAACTGTAAAGCAACTAATGACTTGAGTCATGAACGGA
GACAATTCATCTCCCTTCTCTCAGCATTGCACTGTGTTGGTAGTACAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
CTTCTCCTTCTCCTCCTTTTACTCTGTCGTTGCCTTACCTACCCCTCATCTCCATAATTCCTTCTTCAATCATCAC
CTCTTCCCCCTTCTCTTTCTCTCTCTCGGATCTCCATCCTCAGGTTAGGTTATTGAAGGTACAAATGGATAGTT
TCCTTGGAGGTTTTACAGAAGACTCTACAACCTTAATCAGGATATTCAAAGATGTCCATTCTTAAGGAATATT
AATGAGCCGACAAATTTTTCATTTTCTCGTCCATGGCTTTCCCAATACCTGTACGTGGAGCTAAAGGGCCAAT
TTTTGAAGATGGACCAATTTTGATATGGCATTAGGCTTTTTCATGGACGAGATGGAGTTGTTCCACTCTCTG
GAAGATCCATGCATCCAGGGAGTGTAGAACTCAAACCAGCCCCATCACAGTTCAATCCTTTAGCAGCGAAGGC
AGCCACTATTAACCTCTCATCCTTCGGACCTGGTGGCCCTTCAGCTTTGGTTCATTTTCAGAGAAAGTGGAAAA
ATCAGAAGAAGAAATTCGAATCATCAAAGAAAGAGTCTTCTTCGCAGGGTGGAAATTCACAGCATGAAGCAG
TGGGCAATGAGTGGCTGCAATGGGTAAGTGTCCAATTGCAAAGTCATACCGTGCGGTT

>trans_s_3546 X02873|Carrot gene for extensin

ACTATTTTTATCTTTCTCAAATTTCTTTCACCTTCTCCATCATCTTTCTCAAATTTCTTTCACCTTCTCAATCTC
ATCACTTTCTTCCCTCTCTTCTTCGACAGCTGCCGCCACCACCAGCATAACATCAGATTCTTCCATCCCTGTTG
TCGTCGTCAGTTTCTTCCATCCCTTTTGAATATTGCTCACAAACCAAGAGATTGGGACCGATCTTGCAAAAA
ACCTGTCGGAACATCGCTACCTTGTGGAACATCGCTACCTTGTGTAAGATTAGGGCAGTTTGAGTTTGCA
GGTGACGTCATTTGTGTTAGCGTAACCACTTCTCAAATCAAGTTCTCCATTGCATCAAAGGCGATTGTTCTTAG
TGAGGAGGGTCAACATTGTAAGATCGAAGGTTTGGAGAAGTTGAAAGTCAATCCGGATCAATCTTTGTCCT
ATGTTGTTTTTCTGAATTTTACATATAAAGCAAGCAAGATTTGGTTTTATAAGACAAAGAATAATGCTTATACT
GAAATGATGGTTCCAGCTTTTGAATTTATGGTCAATATGCAATCTATTTTCCACCTCATGACATACATTGTGG
GAAATATATAGGTTTACATTGAGATTGTTTGGTGGTCATTGTTGACTGACATTGTTAATTTATGCATTCCGA

ATATCTAACCCACCTTTGTTCCAGCATTGATCCTCTCCGACACCGGCGTTCTCCTCACTCTTCCGGTGGAACCAG
TTTTGCGGAGCAGCTCTTCTGCTAGGACCCACGGTACGGCAGTGGATTCTACTCTGGCGAACACGCGGCGGC
ACGGCTAATTCTTCTGGCATCTCCCTGACCTGTGTGAACTTCCCTTCAGCGACGTCTCTCTCTCTCGCGAATCTC
TCCCTTCCGGTGACCTACACTTAGAACTGACGTAGAATTGTAGTGGAAAAGCCTTTCGTGCACGAACCAGCAA
AGACTCACTCGATTAAAGCGGTCTGATGATTACACGGCCATCGACACGTTTTATCTAACTGATGAGCAGTTAA
AGAACTCACCTTCGAGAAAGGATGGGATTGATGAAACCACTGAAACCACCCTGAGAATCTATGGTTGCGATCT
CATCCAAAAGGCTGGCATATTGCTTAAATTGCCTCAAGCAGTCATGGCTACAGGACAAGTCTTATTCCAACGAT
TCTAATGCAAGAAATCATTTGCACGCTTAAATGTCAAGAAAGTTGCTTCTAGTTGCGTGTGGCTTGCATCAAAG
TTGGAGGAAAACCTAGGAAAAGCCAGACAAGTAATTATTGTTTTTACCGAATGGAATGCAGGAGAGAGAAAC
TTACCTATAGAGTTCTTGGACCCTTCTCTCAAGAAATATGCAGACTTGAAGACAGAGTTGAGCAGAACAGAGA
GGCATATACTGAAAGAGATGGGTTTCATTTGTCATGTTGAACATCCGCATAAATTCATATCTAACTA

>trans_s_3550 AF384822|Mesembryanthemum crystallinum CDPK adapter protein 1 (CAP1) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGAAAAGTTTAAATGTTCTCAAGAATTCAAAATATAAATAATCGTTTCCTTAG
AGAGCTGAAGAGGCCAAAGATTAAAGTATATATCTTCAAATAATGCTCGTTTCTAGCTCTCATTTGCTAATACAT
TCAATGTATAAGTAACAAAGATAACAAATAGGAGTAAGCTGACAGTTTGGTCAGTAGAGTATAAAATCCATG
GTGTTGACAATTTGATATGAAGGCCTACCGTGAAAACCTCGTTGCAGAGGGTTAGTTTCCAGTGGACCAAAATT
TCTCTACTCTACATTCCTTCTGGCAACTCCACAACGGTATAGGCTCAGTGTTTTGCTTTCTGAATCCAGCTATCC
TCAAAAACCGAGTAAACGTCGATATCATACACTCAGCCTCGTGTGAAGCCATATAATACACAGTAAAACTA
CAAAAACCTCACATAAGGGCTAAATGAATCAACAAAGTTCAGTGAAATTTTGTGAAACATCGTATTTGTTCAATC
CCGTTTCTCTATTTCAACATCCAAATCGAAGTCCTCCTTGAGGATATCTTTCGGAGTCATTCCAAATCCATCAGC
AACCTTTTCCATTCTCTTCAGTCTCTTTACTTCTCGTTTTATTTGGTCCACTCTGTTTGATACGGCATTTTGCCCCG
TTGATGGTGTGTTGATGTCTGAGTTCAGTTTGCTCCTTTTCAAGTTGCTGGAAGAGATTATGTAGATAATTTTTAT
GTAATAGAAGCTTTTCTTCAGCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3551 AJ306831|Populus tremula x Populus tremuloides mRNA for aux/IAA protein (IAA8 gene)

ACAAACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAACCTTCCACAT
TATCATTTTTATTTTTTCTCAAATCTTCGTAGCCTTCCATAAAATTTTATAGATTACAAATCTAATGGCCAACT
GGCAGCTTCTTCTGATCACCCAAATCTCAACTTCCAAGCCACGGAGCTCCGCCTTGGCCTCCCCGGCTCCGACG
AGCCCGATCGCCGCACCGAGTCAAAGTCGAACAAGAGACCCTTTTCAGAAATCGATAAGGAAAGTAACAGCA
GCATTTCCAACAATGGAAATTGCCACGATCAAACCTCCCAACCTCCTCCCTCCAAAGCACAAGGGGTGGGATG
GCCACCGGGTGCATCGTACCGAAAAATGATTTAACTGGAAAGAAAAGAGAGACAAAAAGTTCGAGCGGAA
GGTATGTGAAAGTGAGCAAGGATGGAGCTCCATACCTCAGGAAGATCGATTTAACCATTACAAAAGTTACAC
GGAGCTCGAAAAGGCCGTGGAGAACATGTTCAAATCTAATCTAAGTGGTTACTCCGAAAAAAAAAGGTAGCAA
AAAGGCATCTGATGATGCTCAACTTAAGAAGACAAAGATGGCGATTGGAAGATGGTCGGCGACGTCCCATG
GGAAATGTTTCATCTCTTCTTGCAAAAGATTGAGAATTATGAAAGGATCAGAAGCAAGAGGGTTGGGATGTTT
ATAAAATTTATTTTTAAACAGAGAACAGCCATGACAGCAGCTGATATCATNCAGGGGCTACAGGAGAGAAAG
AAA

>trans_s_3552 EF179384|Eucalyptus grandis UDP-glucose dehydrogenase (UGDH) mRNA, complete cds

CTTCTATGTTCAACACGGTTTCAAACAAGAAAATCGCCGTTCTCGGCTTGCTTTCAAGAAAGATACCGGTGAC
ACAAGGGAGACCCCTGCTATCGATGTGTGCAAGGGACTGTTGGGAGACAAGGCGCGGTTGAGCATCCATGAT
CCCCAAGTGTCTGAGGATCAGATCCAGAGGGACCTCACACTGAGCAAGTTCGAATGGGACCATCCTACCCATC
TTCAGCCAATGAGCCCGACAACCGTTAAGCAAGTGAGCGTTGTGTGGGACGCGTATGAAGCAACAAAGGAA
GCTCATGCAGTTTGCATCCTGACCGAGTGGGATGAGTTCAAGACTCTTGACTACCAGAGGATATACGACAACA
TGCAGAAGCCTGCATTATCTTTGATGGGCGAAATGTGGTCGATGTGGACAAGCTGCGTGACATCGGTTTCAT
CGTGTTCTCGATTGGAAGCCTCTTGATCCATGGCTGAAGGACATGCCGGCTGTGGCTTAGATATGCAGGTTA
CGGTTCTCTTGAATGCCTTGTTGTTGTTGCAAGACAACAAAAGCAGTTGGATTCTTTTACCTTATTTTAAATT
TAATGTATTTTTGTTGGTTTCTGTTTCACTCTCATATCATATCTTGTGTCAGGACTTTTGAAGGTTTGAGACCAT
ATGTTTTGCCTTTACAATTGTCCTCAAACCTATCGTTTACCTTCCATAAAAGTTTTTGTAGAAATTTTATTACA
TTTTCTTTGATTTATAAATCCTCATACGTTTACATTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3553 NM_100606|Arabidopsis thaliana RPL4; poly(U) binding / structural constituent of ribosome (RPL4) mRNA, complete cds

```
AGTGGATAACGAGCGACGTCCATTGAGAACGCAACACATCGCCTCGAAGCTCTTCATTGACCAACAATGGC
GGCCTCCACTTCGCCATCCTCCCTCTCATTCTTCACTTCATCCGTCTTCCTTTCTTCCCCAAAACACCAAATCCC
AACCTCTTCTTCAATTGCAAACCCAATTCTCTTAAACCCCAAACCAAACCCCTATCCATCTCCTCCGAACGCTA
CTCTTCCCGTCTCTCCTTCACCGGCGAAAAAGTCGGTGAAACCTACCTCGACCTCAAATCCGCTCAGCCGGAA
ACCGCCCGCGCCGTCTTCACCGCGCCATTATCACTGATCAACAAAACAAGCACCGTGGGACTGCCTCGACTC
TCACTCGAGCTGAGGTTAGTGGAGGCGGTAAAAAGCCCTACCAGCAGAAGAAAACCGGGAAGGCTCGTCGC
GGTTCGATGCGTACTCTCTCCGGCCAGGTGGAGGGGTGGTCTTCGGGCCGAAACCTAGAGATTGGTCGATT
AAGATCAACAGAAAGGAGAAGAGACTGGCGATATCGACGGCCGTGGCTAGTGCGGCGGTTAATACGATAGT
GGTGGAGGAATTTGGGGATAAGTTTGAGAAGCCGAAAACCTAAAGAATTTATTGCTGCGCTGAAACGTTGGGG
AATTGATCCGAAGGAGAAATCGTTGTTCTTAATGACGGAGGTTTCTGATAATGTGCGATTATCTAGCCGTAAT
ATTGGAACGTTGAAGTTGTTGACGCCGAGGACGCTGAATTTGTTTGAAATTTTGGATCCCGATAAGTTGGT
```

>trans_s_3554 DQ851867|Cucumis melo cytosolic glutamine synthetase (GS1) mRNA, complete cds

```
GTAGTACTAAGTTGGGTGACCACTTGGGAAGTCCTCGTGTTGCACCAGTTGGTATTTCTGCTGGGGATGAATT
ATGGGTTGCTCGTTACATCTTAGAGAGGATAACAGAGATTGCTGGAGTAGTCCTTTCTTTTGATCCAAAACCAA
TCCAGGGAGACTGGAATGGAGCAGGTGCTCACACAACTACAGTACGAAGTCGATGAGGGAAGAAGGAGGT
TATGAGGTGATCAAAAAAGCAATTGAGAAGTTGAAGCTTAGGCACAAAGAACACATTGCTGCATATGGAGAA
GGCAATGAGCGTCGTCTCACGGGACGGCATGAAACAGCTGACATCAACACCTTCTCTTGGGGTGTTGCAAATC
GCGGTGCATCTGTTAGAGTAGGACGAGATACCGAGAAAGAAGGAAAGGGATACTTTGAGGACCGGAGACCT
GCGTCAAAACATGGACCCATATGTTGTAACCTCCATGGTCGCTGAAACCACCATCTTGTTGGAAGCCATGAGGGG
AGGAAGGGAAGGGAAGAGGATGAATAATCTTCAAATTATGACTTTCAATTTCAAATGGGATACTGAAATTTA
AAAGGGGGAAGTGGGTGTTTGATTAGATAAGAATCCTTCTTTGTTTTTATTACGTTTCGCAGTTGATATTCTCAT
CCTTTTGATTATTTCGTGATTTTTCGCTTCCATTTGAGGTTTTCCAAGGGCAAGCTCGTTTCGCCACTTCCCCAT
TCGCTCCATTTCTGTATGAAAGGAATAAAATAATAGGATGGGTTTCTATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
```

>trans_s_3555 Novel Gene

```
CTTCCATTCCGGGGGCAGATTTCACTGCGAGGTGCTGTACTGTGTGCTGAAGTGAGACAGGTTCCCTAGAT
TCAGTTGTCAGGATAATAACGCTCTGGTTAGGTGTTATGTAGTAGCAAATACCTCCTTAGGTCAAACCTATCTT
ACCAGTTTTTTAAAGAATATCAGAAATTTCTGAAGTTTTTAGCCCTCCAATGTTCTGATTATCATCTTCAGTTTAT
AACTCCCTTGTGATGACAAGTTGGATGTTTCATGATATCATTGAACGGCAGTGTTAAGTTTTCATGTGCATTGG
GTACCAGCTGATTCTGACCGGTTGAAATTTATTAACCTGTCAAATTGACCTTAGGATTAGAAGTAAACATATC
TTGCTTTTCTTTAGTTAAATATCATTAGGTTTTTCGTTTCTAACTATAATTTAGTTTGGATTTTTATGTTTGTTC
TTTTGAATGATAGGTTTTTACTTTGCTGACGGTAATAGTGTAAGACTAATGGCAAACCTCTCAATATCAGTAAAC
TTGCATGTATATCTTTGCTTTATTATCCAATCACTTGCCTTTAAGGTTTGGTCTCTTTATATGATGCGAGCAC
GTCTCATCTAATGGCATCACTCATATTACTTATCATGGGAATGACTACTACACTCTTTAGATGCCTAGTTTTACT
TTAACCTGCAGAATACTTCGATAAGAATGGCCATGTGTTGAATGTTATTTAGAACTGCCGTTCAAAATGTCATC
ATGAAATAATAATTCCAACCTGTGTGAGAATAAACTGAAGATAAGTCTTGGAAGGG
```

>trans_s_3556 HQ127734|Arabidopsis thaliana ecotype Columbia (Col) BRIZ2 (BRIZ2) mRNA, complete cds

AAAAAAAAACCGTAGAAGCAAAGGACTACAAAATACAGGATTTAGAAGCGCAGCTTGGAGAACTTATGGCACT
CCTAGAACTGGCCAGCAGATGGAGCAGCTATCAGTAACAAGTGAAGCAAGAGAAGCCAGTATTCTACCATT
ATCACCAGAGCCATCTTCTAAGAACAAATGGGAAAGGAAGCTCCAAGTCCAACAACAAGAAAAAAGCTAAGT
TTAATCACTGACGTCGCTACGGTTTGGCTATTCCAACCTCTACTTTTCGCTGTAAACACACAGATGAACATGAAC
TTGGACAGTATTCAGTGTTGGAAAACATTCATGGTAAATGAAGCCAATGAAGTTAGAACTACTTCTGCACCGA
TAAAGGGCCTAGTTACTTTTATGTGCAGAATTCTGTAGATAGCTATTGAATCTTTTAAGCTCTTAGCTAGCTAAT
CATCCTTTCTTTTGAGGTTGATAGAAGTACGTGGAGTGTAATAAAAGACATACATTTGATTAAAGGTTAAAA
GGAAATAAGTTTAATGTACAGTGTCATCTACCTAGGATTTAGTATTTAATATCTTATGAGTTTCTCGACAACC
AAATATTTTAAAGTTAAAAGAGTTGTCTCGTGAGACTAGTCAAGATGCACAGAAATAGGCTTGGATTCTTATA
TATATGTAAAAAAGTTATATAGTAGTTCAATTGTACAAGTTTAGTTAAGTGGTAAGTGAATTTTACCTAAAAGA
AAGTGGTGAATTAATCTTCCAACCATATANTTTGTATATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3557 NM_118282|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT4G21620) mRNA,
complete cds

ACCCACTTTTAATTTCTGCCAATCCCTCACTTTCTCTCCCAAACATTTTGCAAATCCCACAAAGAAAAAAGAA
AAAGAAGACAAAAATCATGAATTTCTTCATCCCCATTTCCCATTTCTCATCGCCATTCTCCTCCTCGCCATC
TCTCTCTCGCCACCTCCCGGAAGGACGGCGGCTTCGGTGGCATGTTCCGACCCGGAACGGATTGACGAC
ATACCCGGTTTCGGAAAGGGTTGGGACAAGGGGATCGTCGGCGGTGGATACGGTGGCGGCTACGGTGGCCC
CAAAGGCGGTTACGGCAAGGGTGGTATCATAAGAAAACCTGTGGTTGTAAAGAAAAGGGTCTTGTTTCAA
TAAGAAGGTGACTTGTCGGCTAAGTGCTTCTCCTCTACAGCCGATCGGGCAAGGGTTACGGCGGTGGAGG
CGGCGGTGGTGGCTGCACCATCGATTGCGCTAAGAAATGTATCGGCTATTGTTAGGGAAGGGCGGTAATGGC
GGCGGCGGCTTCTGAGTGTTTTTCTTTGACACGGCCGCTCGGTAGCCGAAAGTATCTATAAGTAGTAATTAA
GCTTCGTCATAATGGAAAAAAGAGGCTATGTATTGCAGTTTATAGTAGACTAATATATAAAATTAATAGAAA
TATATAATTATAAGTAATGTTATGTTGGAAGTTGGATCGCTATGTATGAGTTTTTAATTTCTTGTTACTTTCTT
TAAATTATGGTTTTCTGAAATGTTTTGGAATTGGATTTCTTAATTCTGATTTAAATATGCAGTGAGT

>trans_s_3558 AF378858|Arabidopsis thaliana At2g01080/F23H14.5 mRNA, complete cds

ATAGCAAAAAGAAGAAGCAGAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAAAGCGATGGGAAAAAAGAGGGTAATGC
GAGTGGGAGATTAGAAATGAGGCAGCGAAGAGAGGAAGACACTCGGTGGGGGAGAGCTGCTACTGCCAAC
TGCTACACAACAACGCAATCTGTCTCACACTCACACTCCCAGCAGGCAAGCAGCACCACCACCAACAATCCC
ATCCCTTCTAAAATTTCAAATCAAAGCGCGATGTCTTCATCATCAAGAACTGTCCCAAACGGGGTCCACCCTC
GCTACAACCCAGATCCTCCTCCTCCTCGCCACTTTCAAAGGCTGCTGCTGCTGCCTCTTCTCCTTTCTCCTT
CCTCGCCCTCTTACTCCTCGCCATCCTCCTCGTCGCCCTCTGGCCCTCAAACCCAAGAAACCCCAATTGATCT
CCACCAAGTGGGTGTCCAGCACATGGGCATAACCAATCCCAATCCCACCACCGCCTCTTTCCCTCAACATTC
GGATGATTTTCACAGCCGTTAACCTAACAAAGTTGGAATCAAGTACGAGGAATCCCGGTTACGGTTATGTA
CCGAGGAATTCCTCTTGGGAGAGCCTCCGTTCCGGGATTCTTTCAAGACCTCACAGCCAGCGCCAGGTGGAT
GCCACCATCGCCGTCGATCGCCTAAATCTCCTTCAAGCTGACGCTGCCGATTTGATCCGTGACGCTCCTTGAA
CGACCGAGTTGAGCTCAGAATACTCGGCGACGTTGCTGCTACAATCCGCCTCTGTCCTTCAATTCCCCC

>trans_s_3559 XM_002882069|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription factor/ transcription
regulator, mRNA

ATCATTCAAATCTCAATCCCAAACCCCATTTTCCCCTCTCTCTATTTCTCTAGTTTCTTAACCAAAAGTGAAA
AAGAAGGGAAAAAATACCACAAAACCAATGGGAGTTTCCAAGAAACCTTTTGCAAATTCAACTCAACA
TGGAAGATCATAAAACAACACAAGATCGCATCATCATCAAGAGATCAGGAACGACAGCTCAAATGATC

AATCCATATGGAAGAAAAAATCAATGAAAGAAGAAGTAGGAGAAGAGGAAGATCAAGAAATTAATAGCAAA
GGCAAAGACAAAAGTACTTGCAATAATATTAACACAAGAAGAACGACAAGAAGATCAAGAAGCAATTCA
TTGATATTGAAGAAGAGATCGAGAAGATCATCATCATCATCAACAAGTAGAATAGAGCAAAAGGGTC
AACATTTTGAGAAATCTTGACCAACAACGACAACCACCAGGACGATGACGAAAGCTGTACTGCCGGATCAT
TAGAACAGCTTTTCACTCAAACAGCTGATTACATATTGTCTTACAAACAAGAGTCAGATTGATGAAGACTTG
GTTGATGTCTTGCTGATCCTTCTTCTTCTATTGATGAGTGAGAGAATTTGAAAAAAAAAAGAAAGTTTCAT
TTTATTTTTTATATATATATTTGTGTTAATTTGTGTAAAACCTATATCATTATCTCCCTTCTGTAAAGAT
CGATATATGTGATTTTATATATATCATTCTTTGCTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3560 NM_105701|Arabidopsis thaliana ENT1,AT (EQUILIBRATIVE NUCLEOTIDE
TRANSPORTER 1); nucleoside transmembrane transporter/ nucleoside transmembrane transporter,
> (ENT1,AT) mRNA, complete cds

ATATGCATGTAATGAATGAATGCAGTTGGTGAATTCCAATAACTCTCTCCGTCACAAACATTCCCATCACAAA
CCCAACCCACCGTTATCTCTTCTTCTCATCTACTCCGATCACAACTTTTAACGGCGAGCGATGTGAGAT
ATTGCCATGGAATAATCTAAAGGGAAAAAAGAAAAAATGAAGTGAAGAGAAATAACTACCAGAACCCGCGTT
GCCAGCCATAACAGCCTGCATGTACTTCTCCGGCAACTCTCCGGCGGAGCCAATCACTCCACCTTGACCACCG
CATCCGCCGCCCCACACAGAATCACCGATCCGACGGTCACATAAAACCTTTGTATAATCCAACCTACCTGA
ATGTAAACCACATCCATAACAGGGACCAAAAGCAGAGTCACCACAAAAGGCTCAAACCCAAGTTGATTCTGA
AGCTTGGGTTTGAGTTTTGGGTATAAAAGACGATGAAGATGAGGCAATGAAAGAAACCCCATGTAAACAA
TGGCGAAGATTCGATCGATGTTTGTCTGGGTAGAGATAGGAAAAGTAATCGATTGCTGTGACGAAGGCGT
TCCATGGAAGGAGTAACCTAATCCTAACGTAAAGTAGATTATGTAAGCTAAATTGAATGAATCTTTGGGGAT
TTTTTTGGGTTTTGTAATGATGGATGTGGTTTTAAGAAGTGGGGTTGATTCCAAATCTTCATTGGTAAAACCCA
TTTGAGAGTTGAAGGGTTTAGGGTGAATTAAAGCGGGAATTCATGGCTGGAATTTATTGTGTTTATGAG

>trans_s_3561 NM_121902|Arabidopsis thaliana AWPM-19-like membrane family protein
(AT5G18970) mRNA, complete cds

GGAGCTCAAGGCAAGGAAGAAACCTCATCTCATTCTTTCCACAGCTTCTCTAAGCTCCAACCATCAATGGCTA
CCCAGGTACAATCTGCAGTTTCTGTCCTTTAGTCCTTAACCTTGACTTTACTTCATCATCACCGTCATCGCTTC
GTGGGCTGTAAATCACGCATTGGAGAAATCTTTGAATCAGCATCAACATTGACATTGCCAGCTCGGTTGTTTC
CTATATACTTCCCGTTTGAAACATGGCGACGGGGTTTTTGTATCTTCTCCTTGATTGCTGGGGTCGTGGGA
ATGGCATCATCAGCCACAGGAATCACTAATGTCACAAAATGGAATTCCTCAAATATTCACACAGCTTCTGTTTC
CTCTCTTGCACTTTTGCTGTTACTATACTTGCTATGGGATTTGCATGGAAAGAAATTGAACTTGGTTGGACAG
ATTCAAACCTTGAGGACTTTGGAGGTTATAACAATCATCACAAGTGCAACTCAGTTGTTATGCACAGGTGCTGTT
CAAATTGGAGTTGAGGAGATGATTGTGGCTGAAAAGCGAGTTCAAGGAAGGGTTTGAATCAAACCAAAAATA
TTTCTTTCTAAAGGAAAAAAGTCATCTTGTAATTTAAACACTTTGGATTTTTTTTTTCAATTTTTTTTCAAAT
TCATGTCTTAATTCGTGTGGATTTGTGTCATCTATCACACTGTATTTGTTCTCCTTTTCCATTTTAAATTTATG
ACATGTGAGCTTGAAATGCAACAAATTAATAATTACATGATTGAAGATTGGGTCT

>trans_s_3562 NM_121609|Arabidopsis thaliana regulator of chromosome condensation (RCC1)
family protein (AT5G16040) mRNA, complete cds

CCCTTTATGGTGAGGCTTATTGCAGTTGGGGCATTTCATAATTTAGCTCTCCAAGAAGATGGAACCTTTATGGGC
ATGGGGAAATAATGAATACGGACAGCTTGGAAGTGGTGACACACAACCAAGATCACAGCCAATTCCTGTTCA
AGAGCTTTCTGGTCTTACTTTGGTTGACATTGCAGCTGGAGGATGGCATTCAACTGCATTGACAGATAGCGGA
GAGGTCTATGGATGGGGACGAGGAGAACACGGGAGGCTTGGGTTTGGAGACAATGACAAGAGCAGCAAAA

TGGTTCCTCAGAAGGTTCAACTTCTCTCTGGAGAGGAAATTGTTTCAGGTATCATGTGGAGGCACACACTCAGT
TGCAGTAACCAAGTGACGGCCGCATGTTTTCGTTTGGGCGAGGCGACCATGGGAGGCTTGGATATGGAAGGAA
GGTAACAACTGGGCAACCAGAGGAAGTCCGATTGACATCCCACCTCCTCGGGGGAGGACTGAGAATGGCCG
TTGGATTGCCAAGCTTGTGCTGCGGTGGCCGCCATACATTAGCTCTGGTACAATGGAAACCTGAGGATTAA
GCTAAATAACTAATGGTGGTTAGATTCTTCAGATGACCATCCTCTTTCTTTCTATAATAATTATGGGATTAGACT
ACCTCGATTAGCAGCTCTGGAAGAATGGATTGTGCATTGTTGATTGTTTTATCTATTCTGTGTAGTAAAACT
TGCACGCATCAATTTTACGTAATAAAAGACCAGTTAAGTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_3563 XM_002304626|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC052),
mRNA

ACACTCTTCTTCTTCTTCCCCAAATTCATCAATGGAGAACCTCAACTCCCTCAAAAATGGCGTTCTCCGATTAC
CTCCCGGCTTCCGCTTCTACCCACCGATGAGGAGCTTCTTCTCCAATACCTAATAAAAAAAGCCCTCTCCTCCC
CTCTCCCGGCCGCCGTATCCCGACGCGGATGTCTGCAGATTGACCCATGGGATTTACCAGGGGATTTAGA
GCGGGAGAGATACTTTTTTCAGTACAAGAGAAGCGAAATACTCAAATGGAAGAAGGTCTAACAGAGCTACTGG
TTCTGGGTATTGGAAGCGACTGGAATTGATCGGAAAATTGTTTCTACAAAAGAGAATCGATTAATAGGGTTT
AAGAAAACACTCGTTTTCTACACTGGAAAACCCCAAATGGCTTGAGAACTGATTGGGTTATGCATGAGTATC
GCCTTGTTGGAAGTCCGAAGCTCCTCCTTCTTTAATGAAGGATTGGAACCTACCTAATTGAATCCAAAC
TGGGTTTTATGTCGGATATTTCTAAAGAAAAGAAGCACAAGAGAAAGAGATGAGAAGAAGAACACAACAAT
TGTAAGCCAGTTTTTCATCAGTTTTTAAGAACGAGGAATGACACTGATTTGAATCTTCTCCTTGTTCTTCTCCTC
TCTGGATCAAGTGGAGTTACAGAGATTTCACTAAATAATCATCAAGAACAAGAAGAAACAAGCAGCTGCAGT
AGTTTTAGAAAGAGATGAAAATATCATAGTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGAAAAAAGCATTAGCTTT

>trans_s_3564 AY380778|Lycopersicon esculentum Bax inhibitor (BI-1) mRNA, complete cds

AACGTAACGCTAAGAAATTTGTTCAACGCCATGGACGCATTCTCATCTCTCTCGATTCTCAATCTGGATCCAG
AACCCGCTGGAGCTATGATTCTCTCAAGAATTTCCGGCAGATTTGCCCCGCCGTTCAATCTCATCTTCAGCGGG
TTTATCTCACCCTTGGTTGTGCTTTGGTTGCATCTGCTGCTGGAGCTTATCTGCATATACTTTGGAATATTGGTG
GTTTTCTTACAACACTTGCAACTATTGGATGTATTACATGGCTAATGGCTACTCCTCCTTATGAAGAGAAAAAG
AGGGCCTCTATTTTATTAGGGGCTGCTCTTCTCGAAGGGGCTTCCATTGGTCTTTGATCAGTCTGGCTATTGA
GATTGACCCAAGTGTCTGGTGAGCGCTTTCGTGGGAACCTGCGATTGCGTTTTGTTGTTTCTCAGGAGCAGCC
TTGTTGGCAAGACGTAGAGAATTCCTTTATCTCGGTGGCTTACTTTCTCCGGTGTATCCATTTTACTCTGGTTA
CATTTTGCCTCCTCTTTATTCGGTGGTTCTACTGCCCTTTTCAAGTTTGAGTTGTACTTTGGGCTATTGGTTTTTG
TTGGCTACATGGTAGTTGATACTCAGGAAATAATTGAAATGGCACATCTGAGTGATATGATCGATTGTGAAGT
GAAGTGTATGTTGAGTGAAGAATCTTATGGTTTGTGTATAACTTCTGTTTCTGTGCCATTTTGTCTTTTCTTAC
ACTTATTGTTAACCCCCCATGTTAGATGATACTTGTAGATTGTCATGGATAGGCTTA

>trans_s_3565 NM_128450|Arabidopsis thaliana CXIP4 (CAX INTERACTING PROTEIN 4); nucleic acid
binding / zinc ion binding (CXIP4) mRNA, complete cds

ACAAAACCTTTGATTTTCCGATTGGAAGGCTCAAGGCTCTTCTCCTCTATATCCTTCTCCACGGCCTAATCT
AAGGTCTAACCTTGCGGTCGGTCATTGTCGTTGTCGTACGATAAATCCGATCTTGAATTGGAAGTGGGCAT
AATTGGGGAAATTTATTTGGTCTGCTAACTACAGGCATTTAACCTTTCACTAGCTTTTCAATTTCTCAAGTGTTTTG
ATCCTTAAGCTTCAAGATGCCAGCCACTGCTGGAAGGGTTTCGCATGCCTGCCAACAATAGGGTACACAGTAGT
GCTGCTCTACAGACTCACGGTATATGGCAAAGTGCAATTGGATATGACCCATATGCACCGAACAAGGATGATA
ACAAGAATTCTGCCAGCAAAACACAGCTAGCTCTGAGCCAGATGCAGAGAATGCATATGCTAGCTTTCAGG

GTCTTCTTGCACTTGCTCGCATAACTGGTTCCAATGCCAATGAGGTTCGTGGTGCTTGCAAGAGATGTGGCCG
CGTCGGGCACCTTAGTTTTTCAGTGCCGGAATTTCTTGAGTGTTAAGAATGACAAGGAGAAAGACCCTGAAGCT
ATTCAAGCTGATGTTATGTGCGAACTGGATAAATTAAGGGGGTAAAGGAAAAGTTGAAAGTGAGGAGGA
GAGTGAAGAGGAAGAGAGTGAAGGTTCTGATTCAGATGCTGACTCAGAAATTGAAAGGATTATTGCTGAAA
GAGAAGGGAAAAGAAATAGTAAGAAAAGGTCATTGAAAAGAAAGGATGATTCAATCGATGATGGATCAGGT
TC

>trans_s_3566 NM_001058850|Oryza sativa Japonica Group Os04g0250700 (Os04g0250700)
mRNA, complete cds

ATGGAAATCAACCATGAGTCATATGGTTCGAGCTCTCCGGCAATGGCCGCCGATGTTGCAAAAACATTGTTGC
GGTTGCGCCGTACATCATTTTTCTCCTTGTCTCCACCGTGGGTGGCAAAAAGAATATACTCTCGTCGACTATC
TTTAGCTACCGTCCATTCTGCTCGACGCGAAATCCAATATGAATCAAAAGGACTCAGATTATCCAAAGCTCCAG
CACTAGCCAAATCCCAAGAAGATGAGAGCATTAAATGATGATGATTCCGATGTTAGAAAAGAGCCGCAACCAGC
TTAAACGGGAAGCTCGACGAGCTGTCCAATGGGGCATGGATCTCGCGACCTTCTCCACTTCTCAAATTAACG
CATCCTTAGTGTGACGTCCCTCGAGAAAGATGTCTTCGACGCAATAATGCTTGTGAAGAGGCTTGGGAATGAT
GTAAGGGAAGGAAGGCGAAGGCAGTTCAATTACATTGGAAAACCTGCTGAGGGATGCTCAACCTGACACTAAT
TACTCGACATTTTAATACAGGCCACAAAAGCCTGTGACCATAAGATACTACAGAGATTATGTGCTTCAGTAGAT
GATGAAGTTTCAAAATCTGTACATGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGGTCCGCATGTAGACGTTGCTAC
AAGGTGGTTTGACGGGTTAATCAGTAAGGACAATATCATTACGAAGGAAATTTATTCGAAACTGTTGAATTT
GACCGTCAGGAGCTGCGAAGACTAGTTCGAAAAGTACATATGGTTGAAGAACGCAAGGCAGCAATTGAAGA
AA

>trans_s_3567 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

CTGTTTCCAATTGTCCCCATTATCGTCTTGATCAGAGACCAACCGTGAGAGGCGTGCTGTCTGATCTTACCTG
TGACAGTGATGGTAAGGTTGATAAGTTCATTGGTGGTGAGTCGAGTTTGCCGTTGCACGAGCTGGAAGGCAA
TGGCAATTTGTCAGGTGGAGGAGGTGGGCGATACTATCTTGGGATGTTTCTGGGCGGGGCTTATGAGGAGG
CTCTCGGTGGTGTTCAACCTGTTTGGTGGCCGAGTGTTGCGGTGATGCAGAGTGATGGACCGCATA
GCTTCGCGGTGACTCGCACTGTGCCTGGGCCATCATGTGGGGATGTCCTCCGAGTGATGCAGCACGAGCCCG
AACTCATGTTTGAGACCCTCAAGCACCGAGCTGAAGAGTTTGGACAGGAGGATGATGATGGTGGTGAGGGC
ATAGCTAATAGCTTGGCCATGTCCTTTCGCAATATGCCTTATTTGTCGAGTGCATCTTCTGCTGCAGTGAGAC
TGATTACAATGGTGCTGTGGATTCTGGTGCTGGTGATGCCGAGCAATGGACTTATTGTTATGCTTAACAAAGT
TTGTTAAGATTTAAGCGTCCTCAGCCATCCCTAATTAGCTATTGCATTTCTTCTCTAGTAGGTCTGTTTTTGTGT
CCTTATGGGTCCGTCGATGTATTTCCATTAATTTCCCTTTCTATATTTGCAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAA
CTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_3568 BT020516|Arabidopsis thaliana At1g48460 gene, complete cds

GTCTAAAACTTAGAACCATTCTCCGCGGGCTCAGGGTTTAAGGACAAATTTCTTCTCTAAAACCTAAAATT
ATGCCCTCTCAATCCTTCTCTCGTGGCCTTACCTCCCCACTTCTCGGATTACAAGATGCCCGTTCTCGTTTTCATC
AAATGCAATTGGGAAACCCAGTTTCGCCAAGGAGACCACGAGTGCAGCTTGAATTCTCATCCAAGTGTAATGT
GTTGAAGAGGAAGAGATGGGCGTTCTGTGTGTGGCTAATTCTAACAAAAGCCCTCAGCTGGAATCATCTGG
AGAGGAAAATCATGTTCTGTATGTTAGTAGATTGAATGGAGTGGAGCCCTTTCATGGGAAATGTGGTTCTGTC
TCATTTTCATGGCCTGTCTCACCAGTTGGTAGAAGAGGGTAAATTGATGTCATCTCCTTTTAGAGAAGAAAAGG
GCTCTATCCTTTGGGTACTGGCTCCTGCTGCGTTTATCCCTTCTTTGATTCTGCCTCAAGTTTTCTTGGCGGTCT

AATTGAGGCTTTCTTCAAGAATGGAATTCTCGTAGAAATTGTGAGTTCATTGGTGTTTGAAGTCTTGTTTTATG
TTGGAGTCGCGACATTCCTGCTCGTTACAGATCGTGTTCAAAGACCATACTTACAATTCAGCTCGAAGAGATG
GAGCCTCATTACAGGCCTTAGAGGATACTTGTCAACAGCTTTCTTCATTGCTGGCTTTAAGGTTGTAGCTCCAC
TATTTGCTGTCTATGTAACCTGGCCGATGATTGGGCTGCCTGCGCTTGTTGCAGTGTTCCCTTT

>trans_s_3569 AJ309069|*Sesbania rostrata* mRNA for lipoxxygenase

AATAAGAACCCGGTGGTTTTCCCAACCAATCTATTTTTCCCTCTAACACTTTCTCTTCCAACCTTCATTTTTTCCCA
TCTCTACAAAAGAAATCAACTTCCCAGTTCCCAAGGAATAAGGGAAAGAAAAGTGGATGGCACTAGCAAATG
AAATTATTGGATCATCTTTTCTTACAAAACATCCTCTGTTTCTTCTCAGTTTCAAGGTAAGCAATTCTTCAGGCC
AATTTGGGTGGTTCAGTAGCGAAAAGGCAGGTGGTTGCACAATTAAGGAAGGCTGTGAACAGCCCTGTGGC
TGCTATCAGTGAGGATTTAGTCAAGGTTGTCCCCTGGACGAGAAGCCGGTTGAGTACAAGGTCAGAGCCGT
TGTAATATCAGAAACAAGAACAAGGAAGACATTAAGAAAGTACTGTTAAGCATTTGGATGCTCTCACTGAT
AGGATTGGCCAGAACGTTGTTCTCCAACCTCATCAGCACCGAGATTGACCCAAGTGAGTCATTTTTCCCTTCTTT
TTTGTATTTGTGTTCTTTTTTCCAATTTATGGACGTTCTATGCGTTTTCCGCTTCTGGGTTTGTGTTTGTGTTT
GTTTTCGTTATAGTTTTTGTGAGAAAACCTTTTGTCTTCTCCCTGACTATAATAGTTTTATCTGATTTTGTCTGA
ATCTAAAAGAGTTTTACTGAATTGATTTTCATTTGGAACATTGAAGAAACAAACGCTCCAAAGAAAAGCAACG
AGGCTGTTTTGAAAGATTGGTCAAAGAAAACCTAATCTAAAAGCCCTCTCCCATTTAATGGC

>trans_s_3570 AY292386|*Cucumis melo* var. *reticulatus* cultivar Mashadi profilin (Cuc m2) mRNA,
complete cds; alternatively polyadenylated 2

AAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAACCTAGAAAGAGATTTGAGCCTGAAGAAGAAACAAGAAGG
AAGAGGAAGAAGCCGGGAAAGATGTCGTGGCAAGTTTACGTCGATGAACATTTGATGTGCGAGATTGAGGG
CAATCACCTCACTTCTGCGGCCATTATCGGTCAAGACGGCAGCGTTTGGGCTCAAAGCCAAAATTTCCCTCAGC
TCAAGCCTGAAGAAGTTGCTGGCATCGTGGGGGACTTCGCGGACCCTGGGACGCTTGCTCCAACCTGGTTTGT
ACATTGGTGGTACAAAATATATGGTAATCCAAGGGGAGCCTGGAGCTGTTATTCTGTTGGAAGAAGGGCCAG
GTGGGGTTACTGTTAAGAAGACTGGTATGGCTTATGTCATTGGTATCTATGATGAACCAATGACTCCTGGTCA
ATGCAATATGATTGTTGAAAGGCTTGGGGATTATCTTATTGATCAGGGCCTCTAAATATCGGTGTGTTTCTAG
TGCTACACTCTATCCAAGTTCTTATTTGCATCCAGATTTCTCTCATTGCTTATACGATATCTTTTGGATTGCTGCT
AATTTCAAGGAAACCATGTATTGTTTGTACAAGTCTATGGACTCTGAATGGAAATGGGTTTGTGCTTGAGG
AGTGATGATGCTTATGTTTCTGTTATTAGTGTGCTCTTTCACTTTTTTTCTATTTTTTCCCTTTGAAATATTGT
GGTGGTTTTCAAGTGAGGTCCATGTTGTAGCATCAAATATGGATATGGTAAACCAATCACCATAAATT

>trans_s_3571 XM_002887562|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* zinc finger family protein, mRNA

AAACCTGAAACTTTGGAGCTTCACCAGACTGTTAGACATGCCGTATCTGAGCTTGGTCCTGAAGACACGAGCA
AGAACATAGTGGAATCATATTCCAGTCGAGTTGGCTGAAAAAGCAAACCCCAATTTGCAAAATTGAAAGGAT
TCTCAAAGTCCAGAACTCCAAAAACCATCTCGAAATTCGAGGAATACAGGGACTCCATAAAAGCCAAAGCT
ACCAAACCTCCAAAGAAGTACCCACGTTGTATAGCAGACGGTAACGAACTCCTAAGGTTCCACTGCACCACCT
TGAAGTGTTCATTGGGTTTCAATGGCTCTTCCAACCTCTGCAGTTCAATCCCACAATGCAATGTCTGTAGCATAA
TCAAGAATGGGTTCAAGGTGGCGGCAGAGGCAACCGGGGGGGACTCTGGAAGGGGAATTCTAACTACTGCT
ACAAGTGGAAAGGCTCACGATAGTGTGAGATCATCAGACGGCGGCGACGACAAAAGAGCTATGCTGGT
TTGCCGGGTAAATAGCTGGGAGAGTGAAGAAGAGTCCAGAAGGCAGCATGGAAGATTACGACTCATTGGCCG
GAGCAGCAGGCATGTATTCCAATTTGGATGAGTTGTATGTGTTTCAGTCCCAAGGCAATATTGCCTTGTTTTGTT
GTTATTTATGGAGGTTTTTAACTTTTAGCTGCAATTAACGGCTTTTTTGTGGGCAAGAGTTTGTGTTGATTGCCTC
TGGAAGATGTGCAATTTTAATGGAATTGTATTGTGTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3572 AY032953|Rosa hybrid cultivar CTR1-like protein kinase (CTR1) mRNA, complete cds

ATTGCAACAACCATGGGGCAACATGAACCCACCGCAGGTTGTGGCTGCTGTGGGTTTCAAAGGAAAAAGACT
CGAGATCCCATGTGATTTAAATCCTCGAGTTGCTGCTATCATAGAGGCTTGCTTTGCCAGTGAGCCTTGGAACC
GTCCTTCCTTTTATGAAATAATGGAATCGTTGAAGCCATTGATCAAACCTGCTACACCTCATCAAGTTCGCTCAA
ACGTGTCATTAGTTACTCAATGAGGGGACCCAAGGGACATCTCAATTTGTTCATGTGAAAACAGAGTTTTCA
AAAGGTTTGTCTGGCAGATTAAGATGCTGTTTCATATAGATTGAGATTCATCCGTGTATATTAATTTCTTCGCTG
AAAATGCCTCCATTTTTTAGGCAAACCAAGGAAGTGCCTTCAGTTTTGTTGACACTCATGTTCTCTCTTTACGAC
CATAATATACGTATACCTCTCCAGCTGTACAATGTCAACTGTTGTGCTCTTTTATATATGATTTTACCGTTGCC
GCTGAGTCTATCAAAGATGGCCCACTCTACCCGAGTTCTAACCTTTCCCTTTTGTACAAACAAATATAGCTGA
AACATTCCATTGCAGGCAATTCAAATAGAGAGGTTATAACAAATCCCTCGAAGTGTCTCATGTTATATGGAGT
GAAAAAAGCCGCTTCAAATCTTTAGCTGCCGCATTAGGTTGAAAAGCTAGAAGTGTGATATTGTACAATA
ACGCAACTTTTTAACAAATCCTTTACTCCATTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3573 NM_124901|Arabidopsis thaliana RAN3 (RAN GTPASE 3); GTP binding / GTPase/
protein binding (RAN3) mRNA, complete cds

AAATCTCAACCCACTTTAACCTAAATTGTCGATCCTTTGCTCTCTGTTTCGCATTTCCATTTGATTCATTCCAAT
GGCTTTGCCCCGACCAAAAGACTGTTGATTATCCGAGTTTCAAGCTTGTGATTGTTGGTGATGGTGGAAGTGA
AAAACAACTTTTGTGAAAAGACATCTCACCAGGGAGTTGCGAAAAGAAATACGAACCAACCATTTGGCGTGAG
GTGCACCCATTGGAAGTCTTTACAAATTGTGAAAAATTAGATTTTACTGTTGGGACACTGCTGGGCAGGAGA
AATTTGGTGGTTTACGTGATGGCTACTACATCCAGGGCAATGTGCAATCATCATGTTTGACGTTACTGCCAGA
TTGACATATAAAAAATGTTCCACGTGGCACCCTGATCTTTGCAGGGTGTGTGAGAATATTCCAATTGTTCTTTG
TGGAACAAGGTGGACGTGAAAAACAGGCAGGTTAAGGCCAAGCAAGTTACATTCCACAGGAAGAAGAACC
TTCAATACTATGAAATATCTGCAAAGAGTAACTACAACCTTGAAAAACCATTCTTTACTTGCCAGGAAATTA
GCTGGGGATGCAACATTCAATTTGTTGAGTCTCCTGCCCTTGCTCCTCCAGAAGTACACATTGACTTGCTGC
CCAGCAACAGCATGAAGCTGAATTAGCAGCAGCAGCAAGTCAACCTCTTCAAATGACGACGACGATGCTTTT
GAGTAGAAATGGTCGACCATATGGTGATGATGCTGTTTGCTTATCTATTTCTACTNGTGCCCTCTG

>trans_s_3574 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
3-5

TCAAAAGAAATCCAATCTCGATCTCCGAAAGCCTTTTCCTTCCTCGTCGAGCCTTTCTTTAATGGTTGGGGGA
AGCATTTCTTATCTGAACTTGGCGGGCATTCTCTTTCTAGCCTTAGAAAAAAAAGAGGGGTGATTTCCCAAT
AGGCGAAAACCTGAAGGTCCTAGGCCATGCCTTCAATACTCAATCTGGAAAGCTGCAGGGATGACAAAAAGA
GGACGCTTTCTAGATCCTATATCTCAGACCAAATACAACTACAATGAACCGGACTTTGCCTTTTATTCTCTCA
TATCCAAAGCAGACAGAAGATCACCTCATACGACTAGTTGGGTTTGAATTAGATGAATCAAAAATCAAAGACA
AAGTCAAAAGTCAGTAGTAGGGGCTGAATAGCGACTTGATAAAGGAAAGCGAAGAATCCACCTTTAGTCAAT
AGGAGCCCTACTTCCCTCTCTTTGCAACCTCATCACTGAAATTCAAGCGCAAAGAAATTGCTTGATGAGTTGCC
GGGCGTAGCGCACCGCAGGTTAATCTCTCTTTTTTGGAGCTTGACTTTACTAACTAATAAGGGCTCGCTTCT
TCGAACGTACTTTGGTAGGATGACGAAAGAAAGGCTACTTCAATGACGGAACCGCCGGAACGAGAGAGG
GTCGCCTTTGGAAGCCTGAGCCGGTAACCAAAGCCTCACAACATAATAAAAAGGAATGAGTTTAGCTGACCCA
TAAAGCCGTCACACTGAATAGGATCAAGGCTGAAGTTCTCAAGTCGAGAGGGACCAAGGAAAGCTTTCA

>trans_s_3575 NM_127151|Arabidopsis thaliana CSL zinc finger domain-containing protein
(AT2G15910) mRNA, complete cds

AATCAATTCGGAGCGCCCAACACAAACCCAAATCCCTCCATCTTCTTCTTTACCTTCCGAACTCGGCGTTTCTC
ACTCGCCGTCGCCTCGGGATCCACCTCAGCAACCATGTCCTACGACGACGTGGAGATTGAAGACATGGACTG
GAACGAGGAACTACAGGCCTTCACGTACCCTTGCCCTGCGGCGACTTGTTCCAGATCACCAAGGAGGATCTT
AAGCTCGGTGAAGAGATTGCTCGGTGCCCTAGCTGCTCTCTTTACATCACAGTCATCTACAACATGGAAGATTT
TCTGGATGACTCCAATCAGAAGAATAACAAAGGACTCGAGCCCTCTAAACAACACCCTATCGTAGTCGCTTAA
TAATTCAGAACCGTCGAATTCAAATCATGGTGTGCTGCAGCAGCTGAGATGAAATTTTGTGAACCATTGTCA
ATTCTGAAGATGATCTTCTTTGGCATTAAAGTTTTTCTTTGCTTTTCATTACTCTTTTACAGAATTGGTCTACG
AAATAGAGGAAGGTAGAGTTGCGTGTGGAAAAATGTATTAAAGTACTATTTTGTTCCTTCACAAAGTAATTT
ATAGATTCTTGATATTTTACAGCCGAATGTAGTGAGTGGTGAATTCTTTTGTGGAAGTAAATCTGATAATCAA
AAGAACTGTAGACATAGAATGGACGAAAGCTCTAATAATCTAAAATGGTTTGAATCTTATTTTGTGTTGAAC
TTGTAAGTTTATTAAATTTTGGTGTCTTAGCTTTGAAAAA

>trans_s_3576 NM_179044|Arabidopsis thaliana four F5 protein-related / 4F5 protein-related
(AT4G13615) mRNA, complete cds

ATTACCTTTGGTTGAATCTCTGTTTTAGAGATTGGAATCTTCGTTTCTTCGGATTAAAGTCTCCACCCCAATCCT
CCAATTCTACATCTTCTTACCACCCCAATTCATTAATCTCCCTCCAATGACTCATATCCTTCTCAATCTTCAATTC
TTTTTCATCTTTTTATGTCGATTTTCCATGAACCTGTGCTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTAAAGGCGTTTTT
GATTCATTGATTTTAAAATTTCTTCTTCTTCAAGTTTGTTCCTTGACTCAGATCTCTACGTGGAAACCAGAC
GGAGAAAGACCGAAAAAGGGCTCAGGCTCGCAACGGTGGCAAGGGTAAAACCAAAGACGATGGTTTGACTC
CCGAGCAGCGCCGTGAAAGAGATGCTAAGGCGCTGCAAGAAAAAGCCGCGAAGAAGGCGGCTCAGGCGGC
ATCAGGAGGTAATTCATCCGAGGTAAAGCTAGCACTAAGAAGTAAATGGTCTGGGTTTAGAATCATGGA
TTATGTTGATTTTCTTAGCTTTGTTCTTGTGGAACGCCGAGATCTCGTGGTTCTTAGACTGTTTGATATTGGA
GGAGTAACCTTCATATGTTTCAGTAATGTGAATTGATATATGTATTATGCTGTCAACGTTTATTGTTGATTATG
TTTTTCATCATCTTAGTACTCTTGATCTTTACTTCTGTTGAGGTAATATGCTGTCAATTGCGGATTTTGTGAGA
TTGGATCCTAATGAAAAATCTTGTTGAAAAA

>trans_s_3577 AB099931|Malus x domestica Md-H1 mRNA for histone 1, partial cds

ATCGCAACGAAATTACCAGCAACGTATCATATAGCTTCTCTCTTTCTTAATATCCCAAATTTTCATTTGATAA
TTTTCTTCTTCTTCTACCCTAATCCAATTCAATTCTTCTGTTCCCTTAACCCTAATTCTACTTTCATATTGTTGGATT
TGATTTGTTTTCTACCAATGGCTACTGAGGAACCGGTGGTGCCGGTGGAGTATGCGGCAGAGCTGACTAA
CGCCGAACAAGCGGAAGAAAATCCGGCCAACGAAGCTGCGAAGTCTAAGAAGTCGAAAGAACCTAAAGAGA
AGAAACCTGCTGCTCATAGAAAACCAAGAAGTCCTCCAATCATCTCCATATGAAGAGATGATTAAGGATGC
GATTGTTACGTTGAAGGAAAGGACTGGTTCGAGTCAGTATGCGATCACTAAGTTTATTGAAACAAAGCAAAA
GCAACTTCCATCTAACTTTAAGAAGCTTTTGTATTCCATTTGAAGAACTTCTCGCTCCGGGAAGTTGGTGA
AGGTTAAGAGTTCGTTTAAGCTTAAGCCGGCAGTTGCGAAACCTGCTTCTCCTGTGAAGAAGCCTGTAGCTGC
TAAGCCGAGGTCTAAAACCGTAGCTAAGCCTAAAGCTGTGGCTAAGTCTCCTGCGAAGCCGAAAGCTGCTGC
AAAGCCGAAGCCTAAGACGGCTACCAAACCCAAAGCTGCTCCTAAACCTAAACCTGCTCCTAAACCTAAACCT
GCTCCAGCCAAGTCAAAAAGCAGTGCTGTGGCGAAGCCCAAAGCTGCGACAAAGACTAAAGCCGCTC

>trans_s_3578 NM_124152|Arabidopsis thaliana GAUT4 (Galacturonosyltransferase 4);
polygalacturonate 4-alpha-galacturonosyltransferase/ transferase, transferring glycosyl g> (GAUT4)
mRNA, complete cds

CTACGAGCGATGCTTCACTCAACTGAAGAGCAGTTACGAGTGACAAGAAACAAACCTATTTCTAACGCAAT
TAACAGCAAAAACACTTCCTAAAGGCCTTCATTGCCTTCCCTTGCCTGACAACTGAATACTATTCTCTGAATT

GGTCCCAACAGCCATTCCCAGGTCAAGAGAACTTGAAGATCCAGACCTGTATCATTATGCATTATTCTCAGAT
AATGTATTGGCAGCAGCAGTAGTTGTTAACTCAACAATTACTCACGCAGAGGACCCTTCGAAACATGTTTTTCA
CATTATTACAGATAGACTCAACTATGCAGCAATGAGGATGTGGTTTCAAGCAAATCCACCTGACAAAGCTACA
ATTGAGATTGAGAAATATTGAAGAATTTACATGGTTAAATGCCAGTTATAGTCCAGTTCTTAAGCAGTTGGGTTT
TTCATCCATGATAGATTATTACTTCCGGGCTCATCGGGCTAGCTCTGATTCAAATATGAAGTTCCGGAATCCAA
AGTACTTGTCCATCTTGAACCATCTACGATTTTACCTCCCACAGTTATTCCCGAAGCTCAAAAAAGTTTTGTTC
CTGGATGATGATATAGTTGTGCAGAAAGATCTCACGGGACTCTGGTCCATTGATTTGAAAGGAAATGTTAATG
GTGCTGTTGAGACTTGTGGAGAAAGCTTTCATCGGGTTGATAGATATCTCAATTTCTCAACCCTCTGATCTCA
AAGAATTTTGACCCTCATGCCTGTGGCTGGGCATATGGTATGAATATCTTTGATTTGGATGA

>trans_s_3579 NM_001050446|Oryza sativa Japonica Group Os01g0687300 (Os01g0687300)
mRNA, complete cds

GTCCTCTCCGCGGACAAGAACAATTGGCAATCACTCAGGCAACAACCTATAGTCAAGGATAGCAGATCCACTAA
TCGAGAAATGATACTCTCCAGTCTTGATACGCCGATTATGTCATAATAGACCTGCGCCTTGTGCAAGAAATC
TTGAAACCGCAGTGGTTCACAAATCGCAGGATTCAAAACCAACACTACATCAAGCATTTCAGCATAGCTGC
TATGGCATTGATGGGCATGACGGTACTGGGCTTCCGCCATGTGAGTTCATCAGGAGAGGATCTTCTTATGTT
TGGAATAACGAGGGAGTTTGACATCCCCAAGTCTCTCAGGGTTCTGTCACCGTTGATATTTTGAATCAGATTA
TCCTATGAAATTGCCTGACCATTATCAACTCAAGTTTGAAGTCTAGAGAGACCACAAATGCTGTTTTAATGAT
CTGCTAAATTATCATCGACCTCCAGTCGTCTGCTCTGAACCTAAGGGCTAAATTAAGCTTATGGATAAGTTCGT
TACACTTCGTACCACTACCTGAATGGAGCCAGAGGAATGTTGTTGGCTCTTTTACATGATTTTGTGCTCAAGG
ATTGCTCGTCTGGGACTAAAAGGGAACCAAGCTATCCACTTATTTGCAGTAAAGAAACAAGCAGGCTCGTT
GTATACAATTCTATAGTTTTAAGTGATTTGTATTCCGCGTGGAACCATTAAGTGCCGATACTGCATTCCCCTT
TCTCAATATATGGTACCACTTTTTGCGTATGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3580 AF268257|Arabidopsis thaliana PTEN-like protein mRNA, complete cds

ACGGCGATTTCCAGTTTCACCGCTCTAGCTCCCTCTCTCTGTTCCCTCCTCCACCTTCCAAACCCTAAATCCACA
CCCTTCCTTGAAATTTTCGCACCCTTTTTCGCCTTGATTGTTTCAGCTATCTCTGGATTCTTCTGAAGGGGTAAT
GCGTATGTGGGGTTCTTGACACTATTTCTATATAATGGATCCAAATTCTACTGATTCCCAATATCACCTACTGT
TAATTCCTCGGAAACTAAACCACCAGAAGTACACCCTCAGGCTCCTGTTACACCTGGAATGAATAATGTAGCCC
GTGATGCACCATCTAAGTTATCTCCTAGTGGCTTAACCTCATGGGCCAAAACCTTGAAAATTTCTCAACCACAG
TCATCTTCACAAGATGGAGCGACTGAAAATGCTGGGAAGTCAGCTTTTGCACGTTTCACTAGTGGCTTGGGTT
TGAACCTATCTCCAAAATCTCCTGCACCTAGTGATTCCCAGATGGAAATCTAAACCTGCCAACCCAGTTTTG
TGGGATCAATTACAAAAGGGTTGGTTGACTCTTCAAAGAGTGCTGTAAAGGCTGTTCAAGTTAAAGCTCGTCA
TGTTGTCTCCAAAATAAGCGAAGATACCAGGAAGGTGGATTTGATTTGGATATGACTTATATTACTGAAAAT
ATCATTGCCATGGGTTTTCTGCTGGTGACATGAGCTCAGGGTTTTTTGGATATGTTGAGGGTTTCTACAGGAA
CCATATGGAAGAAGTCATAAAGTTTTTGAACGCATCACAAGGGAAAATACAAAGTATA

>trans_s_3581 NM_116120|Arabidopsis thaliana universal stress protein (USP) family protein
(AT3G62550) mRNA, complete cds

ATTATAGCAGCGCTAGCTCTAACATCATCTCAACAAAAGTACACTCAAATCGAGGGAAAGAAGGACGATAATG
GAAGCAGCGAAGAATTCATTGAAGGCGAAGGGAGAGAGCCAGAGGATCGTGGTTGCTGTGGACGAGAGTG
AAGAGAGTATGTTGCGCTTGCAATGGTGTCTTTCAAATCTCACTTCTCCAGACACCAAAAACACTTTGATTCTAC
TCTACGTTAAGCCTCCTCCAGCCATCTCAATCTCTTCTCGATGCGCCTGGGTATGTGTTTTCAAGCGAGGTG
ATTTGCGCGATGGAAAAGCAGAGCAAGGATTTGGTTAGCGCGGTGATGAAGAGAGCGGAAGCGGTTTATGC

GAAGGGGCTATCGTACGTGAGTAGTGGATGAAGAAGAATCGAATCTCTTGTTGATTTTTCTTTTGGGTAAT
TATGTGTGGGGCATTGTCGAACACTTAATTGGTGCTGTTGCAGGTAAATTTGGAGAGAGTAGTTGGGAAG
GGAGATGCGAAGAACGTGATATGTCGCACGGTGGAGAAGCTTGGAGCCGATACCTTGGTAATGGGATGCCA
TGGTTATGGCTTCTTCAGAGGGCATTGCTCGGGAGTGTGAGCGATTATTGTGCGAAATATGCAAAATGTCCC
GTGGTTATTGTGAAACATCCTTAAGATTCTAGAGAAAAAAAAGAATAATAAAAGCCACCCAAGAGAATTAA
CGGAATTTTAATTGGCATGATCTTTCTTATGAGAGGATGGAGACTTGATTTCTCATCTCGGAGCATTGTATTAA
AA

>trans_s_3582 AY935269|Antirrhinum majus plena (PLE) gene, complete sequence

TGGAACCTACTTATGTGATGCTTGGTGCTGCTATAGAATATCGAGAAGCATTTCCTTTTGCGGGAAAATGA
CCTTGGCTACACAGCATGCCCACTGAAGAAGAATGGGGTAGGACTTGTACCATTACTGGCTATCTGAAGTTT
CTTTTGAAGTACTAATGTTTTAACGAAGGCCAACTTCCAAGTCAAATATTTTCTTCCCTGAGCTCTGTGAT
CTACACCTGCAGTTGATGGAATGGTCCAAGAATTCAGATGATTATATCAAGGCATTGGCATTCAAGATGCGAA
CCAAGTTTGAAGAATATTGGGATAAATCTGGATTGGCTCTAGCAGTTTCAGCCATGTTAGATCCTCGGTTCAAA
ATGAACTAGTAGAATACTATTATCCACAAATATATGGTGTCGTCGCTCTACAAAGGATTGACGACGTTCTGA
ACTGTGTGAAGGCGCTTTACAACGAACATTGATCTGCTCGCCGTTAGCTTCCATTGATCAAGGCCTAGCCTGG
CAAGTTGGTAGTAGTTCTGGCTCTTGTCTGGTTCTGGGAAGGACGCAAGGGATAGGTTAATGGGTTTTGACA
AATTTCTTCATGAATCTTCTCAGAGTGAAGGGAGTAAGTCAGATTTGGACAAGTACCTTGAGGAACCTTTGTTT
CCTCGTAATGTTGATTTCAATGTGCTGAACTGGTGGAAAGTTCGTAATCCTAGATATCCAATTTTGTCCATGAT
GGCTCGTAATGTGTTGGGAATTCCCATGTNCAAAGTTGCATCAGATTCTGCATTTAAACTGGA

>trans_s_3583 EF144174|Capsicum annuum methionine-R-sulfoxide reductase B4 protein (Msrb4)
mRNA, complete cds

AATGTCGACAATGGCTGCCAGAAGTTTGAATTTATCGATTCTTCCAAGTGGGTTTATTAGTACTTCAAAAACCC
AACAAAGCTTCAACTTTCTTTCTTTTCTTCTCCTCCAGGTTTCAGAGCAATCAAAAACAAAAGCTTTCATCATT
TTCTACCAGAGTAATGGGCTCTTCTCCTCTTCCAGAAACCAGATGGCATCAAAGAGGCTGGCACCGTCGATT
ACAAATCTTTAAGCGATGATGAATGGAAGAAGCGGCTCACGGGAGAGCAGTTTTATATTACCGTCAGAAGG
GCACTGAGAGAGCTTTTACTGGTGAGTATTGGAACACCAAAACGGCAGGGCTATACCACTGTATATGTTGTGA
CACACCTCTGTTTGAATCATCTACTAAATTTGACAGTGGAAGTGGTTGGCCATCATATTACCAACCTATTGGTG
ATAATGTCAAATCCAAGCTAGACCTTCCATCATTTTCATGCCTAGAGAGGAAGTTCTTTGTGCTGTCTGTGAT
GCTCATCTGGGCCATGTATTTGACGATGGACCGCCGCAACTGGAAAACGTTACTGCATCAATAGTGCGGCAC
TGAAATTGAAGCCAGATAAGTGATGATGAAGATATTACCATACCTGCCTGCAAATTATGTAAGTGAACCCGT
ACTCATTACATGTTTGTGCTTATAAACTGAGGATTCTCGAGAGATGTACACGTTTATTGGGCTGAATGAAAATA
ATTGTATTGGGCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3584 AY052744|Arabidopsis thaliana At2g04520/T1O3.7 mRNA, complete cds

ATTTTATTTGAATCGGTCGTTTGTGTAACACGTTCTCTCTCAGCTGGTTTAGGGTTCATCGTTCTCTCTCTCGC
GCTATATCTTTCTCTCTCTCAGGTTCTGATCACCTTGTAACATGCCAAGAACAAGGGAAAGGGAGGAAAG
AACAGGAAGAGAGGAAAGAACGAAGCAGACGATGAGAAGCGTGAGCTTGTTTTAAGGAAGATGGTCAGG
AGTATGCCCAAGTTCTCAGAATGTTAGGGAATGGTCGATGTGAGGCGATGTGCATCGATGGGACAAAGCGTC
TTTGTATATCCGGGGGAAGATGCACAAAAAAGTTTGGATTGCAGCTGGTGATATAATTCTTGTGGGTCTTCG
TGATTACCAGGATGACAAAGCTGATGTTATCCTCAAGTATATGCCTGACGAAGCCAGGCTGTTGAAGGCATAT
GGGGAAGTCTCTGAGAGCACACGTCTCAACGAGGGTATTGCTGGTGGTATCGATGATGAGGATGATGGTGGT
GGCGATGATTATCTTGAGTTTGAAGGATGAAGATATCGACAAGATTTAGATTTTGAAGTAACCTTTACTTTTGAAG

TTTAGAGTTGTGTTTGTGTGGATGATTGGTCGTATGGATTGCTCCACTTTTGTGTACCATTACTCTTCTATT
CTGTTGGAGAATTGGTATTTATTGCATAAAATCTGGTATTGATATATATACAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAA
AAAAAGTCTACATTAATAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3585 AB206871|Prunus persica mRNA, microsatellite marker M19a

GAAGAGCGAGATTGGAGAGCTAGAAGAGAGAACAGTTTTTCAGGATTCTGATTTCATCGGATTAGCTTCTA
AAATCTCAATCTTAATCTGTTTTTGGAGGAGCAATCATGGAAGATTCGTCCTCTCAATCCTTCTTCAGGAAGC
ACTGGGAAGGCTACAAGGAGTTTTGGTCCGAGAGATTCTCAATTCTCGACAACCTATAGCCCCTACGTCCAGCG
CCCGACCCCTCTTCCTCATGGTCTTCCTCCGATGTCGAGGAATTTATTGCTTCTGACCCCGTTCATGGCCCCGT
TTAAAGACTGCCAGAGAGGCTGTAACTTTGGTCTCACAGGAAGTGTTATTGGAGCTGTATCGACTGCAGGT
GTTGCATGGAAATACTCAAAAAGTTTACATGGTGCTGGGTTGTCTTCCTTGCGGGAGGTGCATTTCGGTTGGA
CTTTTGGCCAAGAGATAGCAAATCATTGGTATCAACTCTACAGGCTGGACACAATGGCTGCACAAGTTAAGTT
TATGGAGTGGTGGAGAAACAAGAGTGAGGGAAGTTCTTAAGACTCTGATTTCAGTTGAAGCAGCGGAGCG
CACACACTGCAGCTGCATCTAAAATAAAAATGTAAGTGCAACCTTGTTGAAATACAATGGTCGATTGGTTTGT
GTTGTGATGAACTCTTCTTCAACCTTTCAAGTTTAGAAAAGTACTGTCTCCTTTTTTATCTTCTGGAAATGACTC
ATTCATTGCAAGCTCGTTAGAGAATGTACCCCATCTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3586 NM_001067225|Oryza sativa Japonica Group Os07g0687100 (Os07g0687100)
mRNA, complete cds

TGTGTGGGGAAGTGAAATGAAATGGAGAGTGGCAAAGAGATGAAGAAAGGTTGAAGATATTATGCCTTCA
TGGATTTAGAACAAACGGAAGTTTTCTTAGAAAGCAACTCAGCAAATGGGATCCTTCCATTTTTGCTCTTTTC
ATATGGAATTTCCAGATGGTATATTTCCAGCAGGAGGAAAATCAGAGATAGAAGGATATTTCCACCTCCTTA
TTTTGAATGGTTTCAATTTAATGAGGATTTACAGAATACAAAACCTTGAAGAATGCATAGATTATGTATGCA
ACTACATCACTACAAATGGCCATTTTCATGGCTTATTGGGTTTTTCTCAAGGAGCAGTATTGTCAGCACTCTTAT
TGGGTTACCAAGCACAGGGAAGGTGTTGAGAGAGCATCCACCAATCAAATGTTTGTGTCAATATCACGAA
CAAAATTCAAAGACGAAAGCATATGTGAAGTTGCCTACAAACACAAAATAAAGGTCAAATCTGTTCACTTCAT
AGGTGAAAAGGATTGGTTGAACTTCCTTCTCAACAGCTTGCTTCTGTCTTCCATCAACCTCTCATATAAGGC
ATCCTCAAGGACATACAGTTCCTAGATTAGATGAATCGACTACTAAAGAGCTCCAATGTTGGGTCGATACAAT
ACTTTCAAGTCGTGGTCATGATGGAAACAGCCGAAGTGAAGGAAAGTGTCATCGACAAAGTAAATGAGAGAA
TTGAAAAATCAGATCATGAAAGAGGAAAAAAATGTATCGATGCTGTTTTGATTTTTATAACCAAAGTT

>trans_s_3587 AB112673|Cucumis sativus CsARF3 mRNA for auxin response factor 3, complete cds

GAGATCTGGGTTTTTCTTCTACTAAATATCTCAAACCTTTCATGTTCTTACTTCAAGATCTGGTGGCTCCCTG
GCGTTTGTGGATCTTAACTCTGTAGTAGTTTCAGCGCCAGAACTCTTAAGAATCAGTAATTTGTGGGTCTGG
AGGAGGAGGAGGAGGAAGAGGAGTTGGGTTTTTGAAGCTTAATCTGGGTTTTGTTTTGTAATTGTAAATTAA
GAGATTGGTATAATCTTGGAGGGAGTGTTAGTGCTGATTGAAGCTTCGGATGAGGCGCAAATCACTGAGT
TCTGTTGCGAAACCGGCTTCGTTGAGGATTCTAGAGTGGGCACCAAGTTTTTGATACTGTACAGATTGAAGC
ACGTGTAGCTTGAAATTACAATGGCGCTTTAGTTTGGGGAGAGGAATATTGTAAGTGTGGAGTGAACAAGAG
CCAGAGTCTTCTGGGTCGCGGATGTGTTTACATTAGCTATTTATTTATCACTTCGGTTGAAGGATATTGTCATG
TTTCGGTAAGAATGAGGCTCTCTGCGGGTGGTTTTAGTCCTCAGGCTCCGGAAGGTACGCCATACTTTGAAAT
TTGAACTACTTTTGCTTGAATTTTGTCTGTAATACATTACGGGAAGTAATCAAAGATTGGAGATGATTCTGCT
TTTGATAACTTTCTATTTGATTCATACCCTTAACGTTTTTGTCTTCTTTTTTGATTGATTGGGGAGACTTGCA
TTTTAACTCGTTTTTTTGCCTTCCGGTGGCCTTGGAATTTGCAGCGTCATGCTTAGATTTATGT

>trans_s_3588 NM_125689|Arabidopsis thaliana catalytic/ nucleotide binding (AT5G62950) mRNA, complete cds

ACGAGGGTTTTCTCGCCGCCGTCGTGGAGTTCTTGATTCCGGCCAAATCTTAAAGCTTCTTCTCCATGAAAATA
TTAGAGGCCAACGCAGGCCCTCTTACGAATTTTGAGGTGCTCGACTTTTTAAGATCAAAAGGGGCAGCTAAGG
ATCCCACTAGGGTTCTTGCGAAAGTGTTACCATCTGAATACAAGGTTTTTGATTATTTGAATCGAACTCCTGCTT
GTAATCAAACGAGAGAAGCCGTCATTGCTTTTGTTGAGAAGTCCAAAGAGTATGATCTCGCGAAAGCTGAAAT
TCTCAATATCATCAATTTGCGGCCTATTACCCCGTTGAGTTATTTCCGATTATAGAGAATTGTGATGTTTCGTAT
GGGAGAAGAAGCAACTGAAAGAATGGAAGAGATGGGGTCGATGGTGGAACACGTATTCCCTACACCTCAAA
TTCAGCCAACGCTTGAAGCAACTCCAAATGAAGGTAACGAGGCCGAAACCATGGAAGAGCAAGAAGGAGCA
GGGGATGCTGTTGAAGAACCCATCCAAACCACTGAACCCAGTTAGAGAATTAAGTGAATGTTGGTAGATATA
AGATTAAATGAGCTGCCTGTGCTTGATTCCCTCTCAAGCCTTAACTCAACTATTCATAATGTGCGTGTAGACAT
GGGTTTCAGGTGAAAGATGAAACTGAGAAGGACAGTTCCCATATATAGAATGTGAAATTAAGCCAAAGAAA
GCTTTTGAGTGCTAAACAATGAAAATGGTTTGGCTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3589 Novel Gene

TAACATTTATTTTTCTTCCAAGTTGAATCACTCAATGAACCCCTTATTCTAATCGCATGAACAACTTACGAGT
CTTTGGTTCAATGCCCAATTCTTTAACCTTTTTCACAACTTGAATCGTTCTATCAACCTTTTGATAACAGTTCTA
GGGTTCAATTCGATCATTTTCGCTATGTTTCTAGAAGGTACTCCTTCACTGGCCAAAATATCAATGTTAGATTC
AAATTACCCTTCAAATCACAACTAGAAGGCTTGGATAACGACAAATAGCAGCAGTTACTTGTTTCATCCGATTC
CAGAATTCCTTATGTAAAAAATGATGGTTCCAACCGAGAATCTAAGCTGCTGCCAAGAACCCATGGGGTTG
ATAGAATAAACTTAGGAAGTAAAGGTCCGACGAGCCGATTTCTGGAGGAACTCAAATCTAGGCTTCAGATT
GGTGGACACTTTGGATTGAAGGATCGAAGGTGCGCTCGAGACCAAAATTGGCGATCTGTGTGTTCTCGAATCCA
TGTGATTTCAAGAAATCGATAACGGCTCCGTACTGCTGGATGTGTTTTTCATCGAACTGGAGCTTTGACCGGC
GGAAGTAGGAGATCCCGAAGAAAGGCCGATGAATTTGTGAGGAATTGGATGGTAGAGACAGAGGGCAAA
GGCAATGTAGAAGTAGAAACGGTGTGAGAAAACGATTATGGAAGAAATGTAGAAGAAAAGAGGAGGAAA
TTTTGGACATTATGGGGTTAGAATGAAGAAATTGAAGAAAGGGTTGTGGTTAGGGTTTTGAGCTCCA

>trans_s_3590 BT004729|Arabidopsis thaliana At4g08240 gene, complete cds

AGGGTTTAGTCGAACGATTCCGATCTCTAGAAACAGAGAGGAAGAGAGGGATGCGAGGAACTGGAGGACCT
CTTCTTTGCATTGGCGATCTTCTCTGCGATGTCGGAGAAGAAGAAGCCGTAGAAGGAAAGGGTTTGAATGAA
ACCCCCAAATCAATTCCATCTCCATCTTCTCTCTTCTGTTTCCACCACACTTTTCGACCTATCTCAACCTCC
TGATCTCCCCAACTCTTCCAGGAAAATTACGACCAATTGAACAAAGTATTTGATGATAATGATCACTCATGGA
CTGCTTTGACATTGAAGATGTGTAGTGCTCTTGATACTGCTACTAAGTTGGTTGAATCAACCAACTCGAATTCA
AGATTTTTGTTGGAGAAGATTGTTGAGCTTGAACATGTTTTGGAAAAGGGAGACGCTACAAGAGAGGCAGCC
ATGGCCATCCAACTAGTTATAGCTCTCAAATTGCTCAAGACTCCATTTCTTCTCTGAATGAAGGTTAGCATAG
GCTTATACTAAAAGGTTTTCTCATTATTGAAGCATGATGGAAATTTAATCTTCGTAGATACTTGTTTAGGGTA
ATTTCCATGTTACGGCTTTGATTCATGCTCTTGTGTTTTCTTATGCGGTAGGGTGTGTTGAGAAAATTTTTATTT
TAATTATTTGTAATCATATTTTGATTGGATTAGAATTAGTAATTCAAGTAAATAGATTAAGTTTTATATTGTATT
TTGGTCCCTAAAGTTCATTCAACTGTGCTTCCCGAATTTTCAAATATACATTTTAGTTCTT

>trans_s_3591 AL161553|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 53

AAATGAACAATCTCAATTCCAACCATGTTTCCTCTTATTCCTCTTCTGCTTCTTCTCCTCCCTTTCTCTACTCC
CACCGCCGCCGAGATTCTGTCTACACCACATTTCTCCACTGCTTTGAATCCAATTCACCCCTTCCGCTGGAGT

TTCCGCCATTGTCTTCGCTCGAGAAAATGCTTCTTACACTTCGGTCTTAGGGCTTATATCCGAAATGCCCGTTT
CAACACCTCCTCTGCCCCAAAACAGTCATAATCGTCACTCCATTGACTGAATCCCACGTCCAATCGGCGGTGA
TTTGCTCCAAGAACTCGGTATTCAACTCAAAATCCGAAGTGGGGGTCACGATTACGAGGGTGTTTCCTATATT
TCCGATGTCGAGTTCATCGTTCTCGACATGTCTAACCTTCGGGCTGTTACTGTCGATGTTGCCGACCAATCGGC
GTGGGTGAAGCTGGAGCCATACTCGGAGAAGTGTACTACAGAAATTTGGGAGAAGAGTAAGGTTCTTGTTA
CCCGGCTGGGGTTTGTCCCACTGTCGGCGTCGGCGGTACATTAGTGGTGCGGCTATGGCAACATGCTCCG
GAAGTACGGGCTCTCTGTTGACCATGTTCTCGATGCTCGGATTGTCGATGTGAAGGGTAGAATCCTCGACTCG
AAATCCATGGGGGAGGATCTTTTCTGGGCCATTAAGGGCGGCGGCGGAGCCAGTTTTGGCGTTGTCCTCGCC
TATAAGGTCCGGCTGGGTTCGGGTGCCGAGACGGTCACTATATTCCGAGTTGAAAGAACTAT

>trans_s_3592 NM_129771|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein (AT2G42080) mRNA, complete cds

CTACTACTTCTATCCCTGAGCTCAAACCGACCCCGATCCATGGCCGCTTTCATTCACTCTCTGGAGGAGCAAAA
GAGTTCATTTAACCTATTACTTATTACCCACCATTCTCCTTCACTCTACTATTTTTGGGGCTTTAATCGTTCTAT
TTCCAGATGATGAACGGCGGCGGCGGCATCAAAACGGCACTCCTCAATCCCAGGCAGATTGTTTTGGCTTGA
AAACTGCTTTTTTTCATTCTACGTCTGTTCTCGACCGCAAAGACGCAGTCATTGGGATGCTAGATGCAACCAC
TATACGAACAGTTTTAGAAGGATTAATACAAAACAATCATTGCTGCGCAAAGTCAGTGCCTATGCACAATTCCT
CTTTCAGAGTTGGCGGGATGAGGTTGAGGCTAATGATCCTTCCTCGAGTAGTGGCACGTCATGGTTTAAAAG
GCACTCATTTAGGGGCTCTAAAAGAGACAGGATCAACCAGAGATCAGGGTGTTGAGCAGAAGTTTTGAGTT
TACTGAAGATGATCCTGATGTTGAGACTGTCTCCGATCTGCATTTGGTGGATATCGGTCTTATTACTGGTCTTT
TATTAATGAAGAGAATCCTCAATGGAGGAGTTCAACAAATAACTCAAGTAAGTATGGGAGATCTTGGACATG
GCAATATAAGTCAAATAACTATGGGAGATCTTGGAGCTGGCAACATAGGGTCGATGAAGATTATGACTCTTTT
AATGGATACGAGGATTCGGATGCAAATTTGGTGTCGCATAGGCTTGCTCTTGGACTANCAGCGT

>trans_s_3593 NM_001035851|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing protein (AT1G01490) mRNA, complete cds

ACTCTTTTCTTTTCTTTCTTCTTAGTATTCAAACATTTTTGTTTCTTATTTAATCCTCGAAACCTCCAACCTTTCT
TCAAATTAACCATTCTTCTTCTTCTTCTTCAACCTTTCGATTCAATATGATGAAAGTTGTGATGAAATTGG
ACTTACATGATGATAAAGGGAAACAAAAGGCTTTAAATCTGTCTCTGTTGTTCAAGGAATTGAATCGATCGC
CATGGACATGAAGGACAAGAAGCTAACAGTAATTGGGGATGTGGATCCAGTTGATGTAGTTGAAAAGGTTCCG
AAAGCATTGGCGGAACGCCGATATCGTCAGCGTCGGCCCGCGAAAGAAGAGAAGAAGGCACCACCAAAAAG
AGACAAAGCCAAAGGAAAAGAGTGAAAGTGAAAACTTGAAGATCTTCTTATATGGTACAAAAGCCATGGTT
ATATTCCTTATGGATCAGCTCCTAATTACCGTGTGTATAGTGTAGAGGAGAATCCTAATTCTTGTGTCAATTTCTT
AGATCAATTAATATGTTTGATTCAACTCGTATATAATATATGTATTAAGCATCCTAATCACAAACATTTTCAAG
ATCAACTCCATGATATATGTATGTTTATACACATATATGAGGTCTTGAAACCTTAGATCATATTATTGTATAAA
GTTGGATTTAATTTGTGATAAGGCTATTTGAGCAGTACAAAAAGAGTTAGAAGAAGACAAATCTTGAAAGGG
TGAGTTGTCCTCAACAAAAAAGGAAAAATGCAAAAACATATTTTATAAAATTATGTGTTTG

>trans_s_3594 NM_001112094|Zea mays protoporphyrinogen IX oxidase (plastidic)1 (prpo1), mRNA gb|AF218052.1|AF218052 Zea mays protoporphyrinogen IX oxidase mRNA, complete cds

CTTTCAAAATTTTATTATCCACCAGTTGCATCGGTGACCATATCATATCCAAAAGGAGCAATTAGGAAAGAATG
CTTGATTGATGGTGAACCTTAAGGGGTTTGGTCAATTGCACCCTCGTAGCCAGGGGGTGACAACTTTGGGAAC
ATATACAGCTCATCACTTTTTCTAATCGAGCACCAGATGGAAGGGTATTGCTCTTGAACCTACATTGGAGGGG
CTACTAATACTGGAATCTTTCCAGAAAGAGAGCGAGCTCATAGAAGTAGTTGATCGGGATTTGAGAAAAAT

CCTCATAAACCCAAACGCAGAGGATCCTCTACCATTGAGCGTGAGGGTGTGGCCACAAGCCATTCCACAGTTC
TTGATTGGCCATCTTGATCTTCTGGACACCGCCAAGACCGGACTGAGAGAGGCTGGAATGGAAGGGCTATTTT
TAGGTGGAACTATGTATGTGGTGTGGCCTTGGGGAGATGTGTGGAGGGTGCCTATGAAGCTGCAGCTGAG
GTAGCTGGTTTTCTTTCTAAAAAGGTGTATAAATAAATAGCTACTTCTTTTTGCTTTCTACCATTAGGCACATAT
CCAAACTGATGGCTCTTCACGCCATTGAGTTGTAACCTGCAAGGGATGGTGATCGTGTTCAGGTATGGTT
TTTTAGCTTTATTTTTACTTGTTTTATTGTAGCAATAGTTGTAATCCTATTTTTAGGATGAATCCTAACATGTTG
ACCTCTCTAAACTTCTTATGGCTTGACTTTTGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3595 XM_002890819|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 4
(ERD4), mRNA

ATCTCCGTTCCCTCCCTCAGTCTCAATGGCGCGCTTCAACGCAATCGCTCTTCTTCGCTATTCTACTGTCGGC
GACGGTAGCTTACGGTGTATTTCTGATCAAATCGACGGCGACGTAAGCGACGGCGAAGATCTTTTGATTCGT
CAAGTCGTCTCCGGTGCTGATGATCGTCTTTAACCGCGGAACAACACTTCCAGAACTTCAAACCTCAAGTTCGG
AAAGACTTACGCCACTGCTGAGGAGCACGATTACAGTTTCGTGTCTTTAAGGCTAACCTCCGCAAAGCGAAG
CGCCACCAGAAGCTCGATCCCGACGCTGTCCATGGCGTCACTCGGTTTTCCGACCTTACTGAGTCAGAATTCCG
TGAGAATTTTCGTCGGATTGAATCGGCTTCGTCTTCTGCTGATGCTCATCAGGCTCCGATCCTTCCGACTGATA
ACCTCGCTCCGATTTGATTGGCGCGATAAAGGTGCCGTAACGCCGGTCAAAGATCAGGGTTCTTGTTGGCTC
GTGCTGGTCTTTTAGTGCTGTTGGAGCGCTGGAGGGAGCTAATTTCTTGCAACTGGAAAGCTTATTAGTCTA
AGTGAGCAACAGCTTGTGGATTGTGATCATGAGTGTGATCCGGAGGAAGCTGGTGCATGCGACGCAGGGTG
CAACGGGGGACTAATGACTTCAGCTTTTGAGTATATTTTGAAAGCAGGTGGGTAGAGAGAGAGGAGGATTA
TCCTTACACCGGCACGGATCGTGGCTCTTGCAAATTCCATTTACGCAACGCCACACGGGTCATGGCCA

>trans_s_3596 HM162873|Glycine max sieve element occlusion s (SEOs) mRNA, complete cds

AAACATAACCAAATTTTACTCTTCTAATTTATTTTTCTTTCTTCTGATCATCTTCTCTACACCCAAACCCATGG
CTACTTCACTCAAGACACCCATTATTCCTGCATCAGCATTGCTTCAATCCAAGCAAACAACCACCCCTCAAGGAG
GAATTGACCATGAAATATTACTCCGACGACCTTGTCACTGGCTACATTTATGCCAAACATCGTGACGATGACTC
TACTAGAATCGACCTCCCTCGTTACATCTCAGTTATCGAAAACATTCTCACCTTTCTGATAGAATCACTGATGC
TGTTCTTCGGGGTACTGATGGACGTCTAGTATATTCAGATGAATCTCAAGCATCAAATGTTGTGATTGAGCCAC
CAGTTTGCCTCTTACCATATCTTGAGCGAGCTATCATGCAAGGCAACGGGGATAGAAAGAGCACATGAGG
TTACACTAAAAATCTTTGAAATATTGACAAATTATCCATGGGAAGCCAAGGCAGCTCTGACTTTGATAGCATTT
GCCACTGATTATGGAGATTTATGGCATCTTTATCAATATTCCCAAACAGATCCACTGGCTAAATCTTTGGCAATT
ATCAAGAGAGTAGCTACTTTGAAAAAGCACTTAGACTCACTTAGATATAGACAAGTGATTGTGAGCCCCAACA
GTTTGATCAATAGCTGCTTGCAAGCAATTAATATATGAATCAAATTAAGAATTCTCTAAGTATGATGTGAAG
GAACTTCCTGAATTACCTTCTGCTCTTCGTCAAATCCCACTGATTACTTATTGGGTT

>trans_s_3597 NM_105497|Arabidopsis thaliana thioesterase family protein (AT1G68260) mRNA,
complete cds

ACTCCGATTGCCATTTCTCAACAAATCCGCCGACGACAGCACAAGAATCCGCGCGATGTTGCAGGCTTCCATTA
CTCCGATTCAATCGCCGCTCCGATTTTCCATGAAAAAATAATGGATTCCCAACCCCTCCATCAGTTGTCTTCC
CCAGCGCCCGGCGGTGACATCTTACGCCTACAATCACTCCCAGTAACCAGAAGCTCTATCTTCTTCTTCTT
TTGATCTCAAAGCCGGCAAAGGGATGGATACTTTCCTAGATATTGAACTCAAAGTTCGTGATTATGAGCTGGA
TCAATTTGGAGTTGTGAACAATGCTGTTTATGCAAGTTATTGCCAACATGGTCGTGATGAAGTCTGGAAGT
ATAGGCCTCAGTCTGATGCAGTTGCTCGTGATGGAGATGCATTAGCTTTATCAGAATTGTCTTTGAAGTTCCT
CGCACCACTTAGAAGTGGTGACAAATTTGTTGTTAAAGTGAGGATCTCAGGCATATCAGTTGCTCGCTTCTACA

TTGATCATTTTCATTTTCAAGCTTCCAAATATGGAGCCAATCTTGGAGGCGAAGGGTACAGCAGTTTGGCTTAAC
AAAAATTATCGCCCAGTGCGTATTCCACAAGAGTTTCTATCCAAATTTGGTCAATTTGTTTCAGGATCACGAGTG
CAAGTGAGGTACTCAGCAAAAATCTGATTCATATACTGAAGTCCATAGTAATGAATCTTGCCTTTTCTCATAT
ACTCATACCACTAATACTCAATCTGTGGTTCATATACACACAACATCACTTTGATTTTC

>trans_s_3598 BT008470|Arabidopsis thaliana At5g12470 gene, complete cds

GCGACTCTGCCATTTGAGTTCTAAAGTTCTAAGTTCCGCCGCCACCTACTCCGCTTTACCGTTTGGAACATAAAA
CCTCCGCTGCCGCCGATCGCCGTGAAGATTGAGATTGAGAGAGAGAGAGATTGATCGCGATGGCTTTTGCTG
CTTTCATAACCTGTCTTCTTCTCTCTCTAAGTTCAATCAGAATCGTTCATTTAGTCATCGCCATCACATTTG
CTTCAATTGCGAATCTCCGTTCTCCAGTTTTCAACTCATCTTCCACCAAGTATCAAGGCCAATGGTCTTTCTCTCA
CTTGTCGAAATGACCGTCGCGATCTCAGTAACCGTCGAGAGCTGTTTTAGTGCTTCATTTGGTGGTGGTNG
GTGGTGGTGGAGCTGATGGCGGTGACTCTTCTCGCGTGGTGGAGGAGGTGGCGGCGGAGATGATCATGGT
GATCAAGGGGATTCTGGTAATGCTGGTGATAAGAATAAGGCGGAGGCGCTTTTGGTGTGGCTGAGGCTGG
CTGGTCACTGGAATGTCTACCGAAGGATTTGGCAGTGGCGATCGAGGCCGGTGAATCCCTGGATCGGTGGT
TACGAAGTTCTTGGAGCTTCAGAAGTCTGCTCTTATGCGATGGCTGATGCAGTTTGGTGGATTCAAGGAGCGC
TTGTTGGCGGATGATTTGTTTCTGGCGAAGGTGGCGATGGAATGCGGCGTTGGAGTCTTCACTAAGACTGCT
GCAGAGTATGAACGCCGAAGAAAAAAGTTCTTTGACGAGCTCGAGATTGTTTTGCTGATGTGGTATG

>trans_s_3599 NM_112947|Arabidopsis thaliana DDL (DAWDLE) (DDL) mRNA, complete cds

TAACCCCTTTACAATTGGAATTTTTGCTTTGACAAACGAACCCAAGCCCTACCGTTGAGCACACCACCATCAG
CCTCCCGTTGCTCCTGTTTCTTCTCACTCTCATTTCTCTACGCCATTAGCCGGTAAGGCAACTGCGCCGCTTG
CCTTTTCTCCGGCCACAAATTCACGCCAAAATGGAAAGCCATTTACTCTAGAATCGAGAAATGTCGTTCCATAG
AGGAATTGATGTGTTGGAATCTTGGCGATCATCTAGACACGAATAAAAACAGATGGGACGAAATGTTTCAG
ATGACCCAGAATCTCCAGGTAGGGTGCGGCGATCTTCTCCTAGAAGGAGTCCTTCCCGCAGAGGAAGATCAC
CTACTCGGCACAAGAGCTCCATAATGGCAGTTCTCCAGCAAGAGACAAGCATTCTAGTCGCGCTAAATCTCC
AAAGCATGGGAGGTCAAGTTCTCCAAGAACTCGGTCTCCTTCTCCAAGGACCAAACGATTGAGGAGAGCTGC
TGAAAAAGTTCCGGATAAATCAAGTGATAGAGATCATGAAAGGAACCGTGGCAGGGGTAGTGATAAAGAAG
CTCATCGGGAAAGAGTCTCTGATAGGGAATTAGGGGGAGAGAGAAAGGGAGAGGAGTTCTAGACAGGATG
TTAAGGATGGAAAATCTTCTCAAGACATGGAAATCTTCTTCTCCATCAGAACGCCACCAAAGGAACCGCCAT
AGGTCCCCATCACCCCAGCCTGATGCCAAAATCATGATGAGGGGAGAAATCAAGAAGACCTGAAAGCCGG

>trans_s_3600 AB190363|Pyrus pyrifolia PpGAL2 mRNA for beta-D-galactosidase, complete cds

ATATTCCACGCTCATGGTTAAAGGAATCAAGCAATTTACTAGTTCTTTCGAGGAAACGGGAGGAAATCCGCT
TGAGATTGTAGTCAAGTTGTATTCAACTGGAGTCATCTGTGGTCAAGTCTCAGAGTCTCACTATCCACCTCTTA
GGAAATTGTCTAATGATTATATATCTGATGGAGAACTCTCTCAAACCGTGCAAACCCAGAGATGTTCTTGCTAT
TGTGACGATGGACATGTAATCTCCTCGCTCGAATTTGCTAGCTATGGAACCTCTCAAGGAAGTTGCAACAAGT
TCTCTAGAGGTCGCTGTCATGCAACCAATTCTCTGTCTGTTGTTTCACAGGCTTGTTTAGGGAAAAATAGTTGC
ACAGTTGAGGTTTCAAATTCTGCATTTGGAGGTGATCCATGTCATAGCATTGTGAAGACCTCGCTGTCGAGG
CTCGGTGTAGCTCGACGTCAAGTATCCATTTCTCTGTTGACATGAAAACAATAATCTCCATTTTCTATCTGT
AAGTATGCTGTGTATTTACTATTATCTTAAATCATCGTCGTCGATTCCATTGTAAATCTGTCGTTTTATTCTAGT
TTTGGTCTTGACTGTACTTTTACGAATGAAATGACATTCTAATGTACTTGAGAAAAAAATTAGTAAATAGAG
GAGTTCCAAAATTTATTTAGAAGAATAGGGTTGATTTGAAAGGCGATCTGAAGTTTTTGTATAGGACGAGAGCC
GTCCTATTAAATTTTTTAAAGAATATATTAGGTCTAATTTTGAAAAA

>trans_s_3601 AY149966|Arabidopsis thaliana At2g17220/T23A1.8 mRNA, complete cds

ATGGTTTTGGAGTCGTATTGATTGAGATGTTGACTGGTTTACGTGCTCTCGACGAAAATCGTCCAACCTGGGCA
AGAAAACCTCATGGATTGGATAAAACCATTCTTGTCGGAGAGAAGGAAGCTGAAAACGTGATGGACTTCCG
GTTGGAAGGAAAATATCCATCCAGATCTGCATTCCAAGTGGCTCAGCTAGCTCTACAATGTATTGAGCAAGAG
CAGAAAAACCGACCATCAATGAAAGAGGTCGTCGAGACATTGGAACAAATCGAACTGTGAATGAGAACTG
ATCGAGACTGGCCGAAACCGTGCTTCCCGTCTGGCATCAAATCGCAATGCTCATCAGCCGCTTACCATAATTC
TCCACTTCACATGAAGCAATATGGAGGCCATGCTAATCAAACACCACCAAGGTGCCGATAGATTCTCTTATCCC
ACTCTCATTTCTTCATTCATATGTTTCTTATAGATGTTAGTTTGAAACTTCATTTTCTAAGATTGTAATTAAGTAC
TTAGTTGTGGATGTTGGGAATTAGGACAGTTATTGCATTACACTGGATTCTCAAGTTTGTTTGATATTTGAAG
TCCAGCTTTACTTATTTTCTTTGTTAGTAAACTTAAATTTTTATCTGTAAAAGAACTAAGTGGCAAACTGA
TGAAGCCATATTGTCTTTGTAATTAGAGAGAGAGAGCGAGAGAGAAAAAGTGATAACCTAATAATTATTTTGA
TTCAATACATAATTTACAAATCTGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3602 NM_116146|Arabidopsis thaliana complex 1 family protein / LVR family protein
(AT3G62810) mRNA, complete cds

TACTTGAACGAAACGACGTCGTGACCTTTGGGAGCTTCATTGTTCTGTGAGGAAGCGCAGAAACCCATTTCAA
GAGGGATCTCATCATGAAAGGGGAAGTTCTAAGCGCCTACAGATCGTTGCTCAGGGCAACCAAAAAGTCCTT
CGCCGGCGACACCTTGATGCTGACCGAGTCGGCCTCCGAGATACGCCGGAAGTTTCAAGAGAGCCGCCACGT
GACCTCCGAGGCTGAGATTCGGAACCTGCTCGATGAAGCTCGGGAGGCCTCCCATTTTCATCTCCAATATGATC
GTTCAGGCCAAGCGTACTTCTCGCGGCGGCTATGAAATGAAACCGCGTAAAGATCATGCTGGTGCAACACTA
GAAGTTCCTTCTGAAGAGCTTCTACGCAAATCTAAATGAGGAGGTGAGATGATGGATGCTGACTTCCAATTTG
ACAATTGTTTTAACTTTTCACTATTTGCTCTTGCCCTAGGAGGATCTTGGAAGTTTCTGTTTCCTTTTGTG
GTCCATTTTCATATCCATATTTATTTGTGCTCAGTTAAATGTACTTGGTTGGTAAAAGGTTCTTGCAATTTGG
TGAAAGTCCCAATCTTATACCTTTTATTTCAATTTGATGGATCGAGAAAGTTGGACTCAAAGTCAAAATTTGG
CTTACAAATTTTTTTAGTGAATGAAATTTTCTAGAATGATCTTTTCAAGAAGCCTGGCGTTATTAGTAAGAGAA
ACAATCATCTTTACTGGGATGGATGATTGAACCTTCAACCTTTAAAAAGGAAGTTATTTTAAATTA

>trans_s_3603 NM_001070033|Oryza sativa Japonica Group Os09g0481800 (Os09g0481800)
mRNA, complete cds

ATTTTCATTTTCATCACTTCCTATGAAAATTACAGCGGCAAAAAATCTCTTGCTCTCTCTCTTTTAGTACTTTTCT
AATCAAAGAAAAGAGCAGCGAAGGAAAAAAGGGCGGCTTTTCTAATCTTAACCACAAAAGTTTGCCAAAAAA
GCCGAATCCTCATCCTCAAAATCACGATGCGGCTACAGGCGCCATTTCTCCGCCACAACATCGTCTCACCTCCA
TCTTTATCATTAACAGCCGCCACCTTCTTCACTGCACCTCCTCCAATATCGAAGTTCCGACCGCCGGAGACGCCA
TCCAGTTTGCGATTGATAATGAGGACACCGAGGCGGAACTCAATGTTTCGGCAACGCTGGTTCCAGATCAAC
GGCCGCTGGATCTGACGGAGGAGAACGTGAAACAGGCACTTGGGGAAGCTCGTGTGGAGCTAGCGCAGATA
TTCGACGACTCCGTCGGCATTACAGGAGTGGTGGAATTGGCTGAATTGGACGGACCATTTGTCAAATTAGTC
TGAAAGGTGATTTTGGCATAAGCGTTCAACAGTCGTAGCTCGGGTCGGCAATTATTTGAAGAACAGAATCCC
CGAGATTTTGAAGTTGAAATCGAAGATGAGAGTCAATTGGATGATAGTCCTGCAAGCTTTTAATTAATAACCC
CATTTCTCTACTGTAGCTATGTACTTTTTGACAAGAATTATGTAGATGCACACAACCTGATTGTCTTCTTAATT
ATTTGATTGAAACCTACCTATAGAAATCATCTATTATTTCTATTTAAATCCTGTTTTGTCTT

>trans_s_3604 AY108819|Zea mays PCO069329 mRNA sequence

TGAAGATTATGAGTTGATGATAGGTGTTGACAGTGACCGGGATGATCCTGTGCAAGCTGAGCTTGCAGCAGA
TGATGTAGCATCTGTTCTTCCAACGACATAACAAGAAACAAATGGATAGATTATGGGTCCAAGGAATATTGC
CTTATTCTTACCAGGAACACTGAGCAACCTGCCAAAAATCTTAAATTGCGAGCCAAGATTAAGATCAGCATGG
AGTACCCTCTTAGGCCTCCTGTCTTCACTTTGAATCTCTACACAATGAATTCTGAAGAAAACCTGTGAAGAGAGT
GACGACTCTGATTGGTATAACGAACCTCGAGCCATGGAAGCTGAGGTGAATCTCCATATACTTAAGATGCTGC
CTTTGGATCAAGAGAACTATATATTGTCTCATCAGATTCGCTGTCTTGCTATGCTGTTAACTACTGCATCAGCG
AGGCATCCCTTTCTCGGAAAGAAGAAAGAGTAGTTCTGTAATTGACGTTGGATTGTGCAACCTGTTAGTGG
TAGTCTACATGCCAGATCGTTTAGAGGAAGGGATCGTAGAAAGATGATATCCTGGAAAGATATTGAATGCAC
TCCGGGCCATCCTTGCTAAGAACTTGGGATCTTCAATATTATTTAGCGCTTCTGCTGCTGCTGGTTGTGG
AACAGTTCGAATGGCATTATTTCTTATTAGACAGTTTCTCCAGTATTGAAATATTGATGGATGTAGTTCCAGC
ATTTGGAAATGTTCTATAAAAAATGCCCGAACTGTGTATGTCCAATGAGATCGTGATTAAAT

>trans_s_3605 AB264546|Nicotiana tabacum hsp90 mRNA for heat shock protein 90, complete cds

ACTTCTTCTTTAAGCCTCCTCTTCCATTTCTCCTCCATTTCCCTCTTTCGATCGACGTCTTACCAATGGCGGAT
ACTGAAACATTTGCCTTCCAGGCTGAGATTAATCAGCTACTCAGTCTCATTATCAACACCTTTACAGCAACAA
GGAGATCTTCTCCGTGAACTCATCAGCAACTCCTCTGACGCTCTAGATAAGATTCGATTTGAGAGCTTGACTG
ACAAGAGCAAGCTCGAGGCTCAGCCTGAGCTTTTTATTACATCATTCTGATAAGGCAAATGGCACACTGTC
GATCATTGACAGTGGTATTGGAATGACCAAGGCTGATTTGGTGAACAATCTTGGTACCATTGCTAGATCTGGG
ACCAAGGAGTTCATGGAAGCTCTTGACGCTGGTGCTGACGTGAGCATGATTGGACAGTTTGGAGTCGGTTTCT
ACTCAGCTTACCTTGTGGCTGAGAAGGTTATCGTTACCACCAAGCACAATGATGATGAGCAGTATGTATGGGA
GTCCCAAGCTGGGGGTTCTGTTACAGTCAACAGAGACACATCTGGTGAGAATCTTGGCCGAGGTACAAAGAT
TACCCTGTACCTAAAGGAAGATCAGCTTGAATACCTTGAGGAGCGCCGTCTTAAGGACTTGATCAAGAAGCAT
TCTGAGTTTATTAGCTACCCAATTTCTCTCTGGGTTGAGAAGACCATTGAGAAGGAAATTTCTGATGACGAAG
ATGAGGAGGAGAAGAAGGACGAGGAAGGAAAGGTTGAGGAAGTTGATGAGGAGAAGGAGAAGG

>trans_s_3606 NM_179963|Arabidopsis thaliana FAC1 (EMBRYONIC FACTOR1); AMP deaminase
(FAC1) mRNA, complete cds

TGGTCAAAGTAGACTAAGGGAAATCTTCTAAAGCAGGACAATCTAATTCAAGGGCGTTTCTTGGTGAGCTG
ACCAAAACAAGTATTTTCTGATCTTGCTGCAAGTAAATATCAGATGGCTGAATATCGGATATCTATATATGGAAG
GAAGCAAAGTGAATGGGATCAACTTGCAAGTTGGATAATTAACAATGATTTGTACAGTAAGAACGTTGTATGC
TTGATCCGGCTGCCAAGACTTTACAATGTGTACAAGGAAATGGGGATCGTGACTTCATTTCAAACATTCTTGA
CAACATCTTCTTCCATTATTTGAGGTCACGGTGGATCCAGATTCACATCCGCAGTTGCATGTTTTCTTGAAACA
GGTTGTTGGTTTGGATTTGGTTGATGATGAGAGCAAATCTGAACGACGCCCTACCAAGCACATGCCAACGCCT
GCTCAGTGGACAAACGTCTTCAATCCTGCATTCTCATACTATGTCTATTACTGCTATCCAATCTCTACACTCTAA
ACAAGCTTCGTGAATCAAAGGGCATGACCACTATAAACCTTCGTCCACATTCTGGGGAGGCTGGCGATATTGA
CCACCTTGCTGCAACTTTCTAACTGCTCATAGCATTGCATGGAATCAATTTGAGAAAATCTCCAGTGCTTCA
ATATTTGTATTATCTAGCACAGATCGGTCTGGCTATGTCTCCACTTAGCAACAACCTCCCTATTTTGGACTATCA
CCGGAATCCATTTCTGTGTTTTTTTCTCGTGGTCTAAATGTTTCTTTTCCACTGAC

>trans_s_3607 HM772991|Cucumis sativus nitrate transporter 1.1 mRNA, complete cds

CAAACCACACACATATCTCCATCTCTCTCTCTCTCAACACTTATTTGCATACACAACTTTAAAAAAAACA
CCATTTTCTTCTTTAATTTCAACAGCCATGAATTCCTCCACTCACTCACAAACCAAAGCTATTCTCCAAGATGCT
TGGGACTACAAAGGCCGCCCGGCCGACCGCTCCAAAACCGCCGATGGACAGCAGCTGCCATGATTCTCGGA
GGTGAGGCTGTAGAGAGGCTTACAACACTTGAATTGCTGTGAATTTGGTGACATATATGACAGGAACTATG

CATTTGGGGAATGCAGTTTCTGCTAATATTGTCACTAATTTTCTTGGCACTTCCTTTATGCTTTGTCTTCTTGGTG
GTTTCATTGCTGATACATTTCTTGGCAGGTACCTCACAATTGCCATCTTTGCAGCCATCCAAGCAACTGGTGTTA
CAATCTTAACCATTTCTACCATAATCCCTTCCCTCCGCCGCCGAGATGCACAGTGGAGTCGTCGTCACATTGT
GCTCCCGCCACCGACTTTCAACTGACGATCCTCTACATCGCTCTTTACACGACCGCTCTCGGCACCAAGTGGATC
AAAAATCCAGTGTCTCCGGTTTCGGTTCAGATCAGTTTGATGAGTCAGATAAAGAGGAGAGAGCCCAAATGTCC
GCCTTCTTTAACTGGTTCTTCTTCTTTATTAGTATTGGATCGCTCGCTGCCGTGACGGTTCTTGTCTACATTCAAG
ATAATTTAGGGCGACAATGGGGGTACGGTATCTGTGCTTGTGCCATTGTAGCTG

>trans_s_3608 NM_112241|Arabidopsis thaliana RHD3 (ROOT HAIR DEFECTIVE 3); GTP binding
(RHD3) mRNA, complete cds

AAGTACAATCCGGTCCAGTTCAAGGTTTTGGAAAGAAGCTAAGTTCAATCATCAATACTTGTTCATCAGAGTAT
GATGCAGAAGCCACATTTTTTATGATGAAGGTGTGAGATCTGCAAAGAGAGCACAACTGGAAGAAAAATGTG
CAACTTGTTCATCAGCCTTCCATTCTCTGTTGGGACACATAAGGTCTGGGACATTTGAAAAGTTCAAAGAGGC
ATTTGATAAAGCTTTGAATGAAGGGGAAGGGTTTTCTTCAGCGGCCTCTAATTGTGCTCAAACCTACATGGCTA
TTTTTGATAAGGAATCTGCTGATGCTATCATTGAGCAAGCAAACCTGGGACACTTCTAGAATAAGGGATAAACT
TCGGCGCGATATTGATGCTCACATTGCGACTATTCGTGCTGATAAATTATCTGAACCTTCTGCTCAATTTGAGA
AAAACTGAAGGATGCATTGTGAGGACCCGTAGAAGCTTTGCTAGATGGAGCTAATAATGAGACATGGCCAG
CCATAAGAAAACTTCTTCAACGAGAGACTGAGTCTGCCATCTCTGGGCTGTCTAAAGGACTAGTGGGTATGA
TATGGATGAAAAAACTAAGGAAAAAATGCTTACCCAGCTTAAGGATTATGCTAGAGGTGTAGTTGAATCAAA
AACAAGGGAAGAAGCTGGAAGGGTCTGAGTCGTATGAAGGACAGGTTTACCACCTTGTTTAGCCATGATGC
GGAGTCGATGCCACGTGTATGGACAGGGAAGGAAGACATACGGGGCATCACCAAACGGCTCGTTCTG

>trans_s_3609 AB071961|Panax ginseng PGGT-1 mRNA for UDP-glucose:sterol 3-O-
glucosyltransferase, complete cds

ACGGATTTACAACATCATTCCATTTCCATCCAACCTCGTCAAGAAAGATTCTTCTTCTCACTCAATTCTTTCCTCAC
AATCCAAACTTTTCCCCCTCTGAATCCTTGGATCTGAATTTCCGGCGCCGATGGGGGAAACGCTTGACAGGCAT
CCGACCTCCGCTTTTAGCTCCTCCGAAGTTGATGTTAGCATCGAGCTTGATGCGAGGATAGAGAATGGTAGTG
CTGGTGCTGGTGCTGGTGCTGGTGCTACTACTGCTGCCGATGTATTGGCGAACAAGGAAGTTCGAATTGAAG
ATGGTGGAGATTGCTCTCCAGGTATCTCTGGCAAGACTCTTCTTAAAGTCAACACCATGCCATACAGACATCA
AATATTGACCAGTTGGAATCTGATTCGAGTCAGCATAAACTAGAAAGATCAAAGACTGAGGTGCACAAACATA
ATAAGTTTCTTCTGAAGAGGCAGCTAAAATTTTTGATGATAAGATTCTGTTTATAGGAAGCTGAAATTGTTA
AACAGAATAGCCACAGTGAAGGATGATGGAAGTGTGGAATTTGAAATCCCTGGAGACGTTGGAGCACCTCTT
GACATTGGTCCAAACGAATTCTCTCATGGTACAATTGAAGAAGAACCTCCTGATGTGGCAGACCTCCAGGATA
TTCCACCTTTGCAATAGTAATGCTTATTGTTGGAACACGTGGAGATGTACAGCCATTTGTAGCAATTGGAAAA
CGCTTACAGGATTATGGCCATCGTGTTAGACTTGCCACTCATTCAAATTCAGGAGTTTGT

>trans_s_3610 XM_002870861|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata macrophage migration inhibitory
factor family protein, mRNA

AAAACAAGGGCAGACGATTCTCAGATAAGAATTCCTGAACACAGAAGGAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGA
AGATGCCTTGCCCTTAACATTTCTACAAATGTCAGCCTTGAAGGTATCGACACCTCCTCTGTTCTCTCCGAGGCTT
CATCGACCGTTGCCAAGATCATCGGCAAGCCAGAAAACCTACGTAATGATTGTGCTGAAGGGATCAGTACCCAT
GTCATTTGGGGGCAATGAGCAGCCAGCAGCATATGGCGAGTTGGTGTCCATCGGTGGTCTGAACCTGATGT
CAACAAGAACTGAGTGGTGAATTGCTACAATTCTGGAGACCAAGCTATCTGTTCCCAAGTCGAGATTCTTTC
TCAAATTCTACGACACCAAGGGATCCAACCTTGGATGGAATGGCTCCACTTTCTAAGTTACCTTCATCTATTAG

CTCTTGAAATCCCAACTTTTATATGCTGGGACGTACTTATAAGGATTGGTATTGTTAACTCGCCGTATTATAT
TGAGTTTTATCTAGATGACCTGTGACTTTTGGTCATGAATCATAGATCTAGTTATTATCTACCAAGTTCTAATGG
GTATTTTTATTGGTTTATCACTCTTAAAAATTTAATCATTTTAAAGGCATGCCTAAATACCTAAAGAAGTTTG
CAGAATATACCTTAATTGTTTTTGTCTTATTTTGTCTTGTAAATCGCCTATCATGTGATGACAAACAGGA
AATCTGATTTCAAATTCTATTCTTTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3611 XM_002883060|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata beta-glucosidase, mRNA

AAAGCAATGAAAATCTGCTTCTTTTCTTCTACTCAGTCTCATCATTGCTTCAACCTTCGCATCGAAACCAACT
ATGACTTCTCCGGTATCATCTTGGACACAGGAGGCCTCAGTCGAGCTGCATTTCCAGAAGGTTTCGTCTTCGG
AACTGCAACTTCTGCATATCAAGTAGAACGAATGGCTGACAAGGATGGCCGAGGACAAAGCATTGGGACCC
TTTCGTTAAACTCCCCAGAAAAATTGCTGGCAATGCTACTGGAGATGTAGCTGTGCATCAATATCATCGATACA
AGGAAGACATCGATAACATGAAAACTTGAACCTTGTATGCTTATCGATACTCGATTTCTTGGCCGAGGATATT
CCAAATGGAACAGGAGAAGTAAATTGGAAAGGGGTTGCTTACTATAATAGATTGATTGACTACATGATTCAAC
AAGGAATCACACCCTATGCAAATCTTACCACTATGATCTCCCTTGAATTACAAGAAAGATATGGAGGTTTA
CTAGACAAGCAAATTGTGGCCGATTTTACAAATTATGCAGAATCTTGTTCACAATTTGGAGATAGAGTGA
AGAATTGGATGACATTTAACGAACCGAGAGTTATAGCTGATGTGGGTTCAATAGTGAATAATGCCTCCTTC
AAGATGTTCAAAAGAGTATGGAAATTGTACAAATGGGAATTCAGGAACTGAACCTTACATTGTGGCTCATAAC
ATAATTCTTCCCATGCTAATGTGGTTGATACATATAGGAGGAAATTTNCAGAAAAACAAGGA

>trans_s_3612 BT025731|Arabidopsis thaliana At2g01870 mRNA, complete cds

AAAGCAATTTTCATGTGGTAGTGTAAATTAGCAGCTTCCAGATGCTTCCCTTCAGTCTTCTTCAATCAAAACCAG
AGGCCGCCATTTATAGCCACCAAGAAATGCTCTGATGGTGTGTTTGAAGATAAGGAAATTTACCCATTTCTTA
TTCTGCTTCTCATTTTTCCATTTTGTGTGCAAGGGAGTCAGATTCTCAACAGTTTGAGGTTGACCCAGATAAGG
CTAGGCAAGCCCTTCAAGAGCTTGATCAACAGCTTCAATCTTCTCCAAGAAACAAGTCTTCTCCCAAGAAG
AAAGTTGTTCAAGATATGAATCTTCCAAGAAGCCAAATGAGAGGAGAAATGACAGAGATTCCAGGGACTCTT
TTAGCAAATTCAGCTGTTGTCTCTTCTCATCTTCTCCATTTCTACAATGTGCTGTTTATACTGTCATAAAGCCTT
CCATTGATGGTCCATTACCAAGTTCTATCAGTTCTGACTTTGAAAAAGAATCCACTCAGCCATCAGTTCTACAG
CAGCTTCCACTTTTCATCTATGTCCATATCCCCCTCACTTCTTAGTTAAAATATTTAATTATGATATTACAGAACTT
CAACTATGGTTATCTAAATTGTATACATCAAGAAAAAGTGATCGAGATTACTTTGTTTACAGAGTATTATATTG
ATGGTATGCCAAAGAAAGCATAGCTTGTGCACTTATGTACTAAAGATTCTAACTTTAAGGTAGAATAAGTTAC
GAAGAAGGTTCTTATGTACCTTCTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3613 Novel Gene

CACTGTAGTAATTAGTTAATTGGTCTCTTACAGCTAATCCCTAGTCATCTACATACAAACCATATCCTGCCCC
TGCTTTTTGTCTATGATCTCTGGCATTGACATGATGTAGCGTTGTAGAAGAAAGAGGATACAACAATAGATTCT
ATATCTTGGAAGCTTTGATAATTGGAGGCCTTTCGTTCTTTCTCGAATCGAGGCCAAACCACTGTTGTTTATT
TGATGAAGTACATAGTGGTATCATGTATCATGTAAATTTTCATGAATTTCCAGGTGAAACAAGTTATTCTGAA
GCAAACTATTGAGAGGAATGATGTTGGGTATGGATATCGCATCTCGTTTTGATACATAAATTAGAGAACT
AGCCTGCCAATTTATATTGGTAAGCCTATTAGTCATGTTGTTGTAGTTTTCTTTTCTTCCACTTTGCCACCTTC
TTTAGGTTTATTATTTCCATAAAGTTGGGGAAATCAGCATGGAAGTTGGCATCTAGAAGACCAAGCGAATAAA
ATATTCAAAAGGTAAAAGTTATGGTTTAAATTTAAAAGCTTCCTGAAATTTCCCCACAACTCGCTATAGTC
TAAGAACTCACTGTCTTTGTATTTTCTTTTCATTGGTCACGTGTAAGCTTGTGTCCACTTCGCCAGCACTTGT
CATTTATTGGGAAACACAGATATTAAGTTTCCCAAGTGCCAAAAGGGAACACATTTAATGAGGGAATAAAG
GACAAGAAGATATTCTTCTGCATACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3614 NM_126136|Arabidopsis thaliana ARA12; serine-type endopeptidase (ARA12)
mRNA, complete cds

TGACAACAGCCTACACAGCCTACAAAAATGGCCAATGATCCAAGATATCGCCACCGGAAAACCATCCACCCCA
TTCGATCACGGAGCCGGACACGTGGATCCCGTATCAGCTCTCAATCCAGGTCTTGTTTACGATCTAACGGTGG
ACGATTACCTGAACTTCCTCTGCGCACTCAACTACACTCCGTCGCAGATCAACTCACTGGCAAGGAAAGATTC
ACTTGCGACTCCAAGAAGAAGTACAGTGTCAACGATCTCAACTACCTTCTTTTCGCCGTCGTTTTCGATGGTGT
ATTAGGCGGCGGAGGCAGTGGTTCCAGTGTAGTCAAGCACACCAGAACAACCTTACAAACGTTGGCTCCCCAGG
AACCTACAAAGTCTCAATCTCGTCGGAGACCAAATCAGTGAAAATCTCCGTCGAGCCGGAATCATTGAGCTTC
ACCGGAGCCAATGAGAAGAAGTCTACACAGTCACATTCACCTCCAACGGTTCGGCGGCGCCATCGAGTGCA
GAAGGGTTTGGTCGAATTGAGTGGTCGGACGGGAAACACGTGGTGGGAAGTCCGATTGCGTTTAGCTGGAC
GTAGAAAGAGGACAATGAAGGAGATGGGTCTTGTTGAATTTTCATGGCTAATGGGCCCAGAAGATGGGGGT
ACCATCGATCTGACATCAAAATTGAAAGTTAATGTAATATTTGTGGAATTCCAGCGGGAAATAGAGCTGGATT
TTAGTGTTCCTTTTTTCTTTAACATTTTGTCTACTCTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3615 U49104|Triticum aestivum calmodulin TaCaM3-3 mRNA, complete cds

TCTTATCGGTATCATACTAATTCTCCTGCCTCCCTCCTTTTGAATTAATACTTCCACCAAAAAAAAAAACCCCTC
CCTTCTTAGTCTTCTTTCTTCTCCGTCCGGTGGCCGCCGTTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTAT
AACTTTTCCCTGTAGGTTTATACTTCATCCTTCTCTTCTCAATCGTTTCCTTGGTTAAAAAGACTACTGCATTT
GATTACCTTCTCCAGTACTCACCATGGCGGATCAGCTAACCGATGACCAGATCTCTGAGTTCAAGGAGGCCTT
CAGTTTGTGTTGACAAGGACGGCGACGGTTGTATCACAACCAAGGAGCTTGGTACTGTTATGAGATCGTTAGGT
CAGAATCCAACGGAGGCGGAGCTTCAGGACATGATCAATGAGGTGGATGCTGATGGAAATGGAACAATCGA
CTTTCAGAGTTCTAAACCTCATGGCGAGGAAGATGAAGGATACGGACTCAGAGGAAGAGTTGAAAGAAGC
ATTCCGTGTGTTGATAAGGATCAGAATGGCTTCATCTCCGCTGCTGAGCTTCGCCATGTGATGACAAATCTTG
GCGAGAACTGACAGAGGAGGAGGTGGATGAGATGATCAGAGAAGCTGATGTGGATGGCGATGGGCAGAT
TAACTACGATGAATTTGTGAAGGTCATGATGGCCAAGTGAGCTTCATCATCCTCCTTCTTCTACTATCTCACCA
GAACACTCAATCATAATAATCTTACTCAAAATCCAAAAAGGGGGTTTTTGAAAAGGAAA

>trans_s_3616 AY972079|Glycine max chloride channel mRNA, complete cds

TCATGGACATCGTTCCAGTTGCTATCATTGGCCTTCTTGGTGGATTCTTGGAAGCCTTTACAATCATCTTCTCC
ACAAAGTCCTCAGAGTTTACAACCTCATCAATCAGAAAGGAAGAATGCACAACTATTACTAGCCTTAGGAGT
ATCACTTTTCACTTCAATTTGTCAATACAGTTTGCCATACCTTGTTCAAGTGCCTCCCTGCAACCTTTCTTTCCA
GATTGAGCTTGCCCTACCAATGGCCGCTCCGGCAACTTCAAGCAATTCAACTGTCCTAAAGGCCATTACAATGA
TCTCGCTACCTTCTTCTCACCACCAACGACGACGCCGTTTCGAAACATCTTCTCCATCAACACTCCAGCCGAGTA
TCAGCCTCTTTCCCTTGTCATATTCTCCTCCTTTACTGTATATTAGGATTAATCACCTTCGGTATCGCCGTTCTT
CCGGTCTTTTCTTCCGATCATCTTGATGGGCTCTGGTTATGGCCGCCTTATCGGCCTCCTTATGCGATCCCACA
CCAATCTCGATCAAGGACTCTTAGCTGTTCTTGGTGCTGCTTCCTTAATGGCCGGCTCCATGCGAATGACCGTT
TCTCTTTGTGTCATATTCCTCGAACTACCAACAATCTCCTTCTCCTTCGATCACCATGATTGTTCTTCTAATTG
CAAAAACCGTCGGAGACAGTTTAACTAGCATTTACGATATCATTCTCCACCTGAAAGGACTTCCATTTCTC
GACGCAAATCCGGAGCCATGGATGAGAAACATAACAGTGTGGATACA

>trans_s_3617 NM_100536|Arabidopsis thaliana PDS1 (PHYTOENE DESATURATION 1); 4-
hydroxyphenylpyruvate dioxygenase (PDS1) mRNA, complete cds

TCTGGCTCTCTCCAGCATAAAGGTTTCGGCAACCTGCCCGCCATCTCTTGTGTTGCGAGCTCCACCCATGATGCCA
AAACTTACGGATTTGCAGAACAGCAAACGACCATGACTTGACTTGTTGGAGTTGATGAGTGAGGATATTTTCA
GAACCTTGATGGAGATGAGGAAACGAACTACCGTCCGTGGATTTGAGTTCATGCCGCCCCCGCCGCAACATA
TTACAAGAACTTGAAGAGCAGGGCGGGTGATGTGCTGACGGATGATCAGATTAAGGAGTGCGAAGAATTGG
GGATTCTAGTGGATAAAGATGATCAAGGAACCTTGCTTCAGATCTTCACCAAGCCCGTGGGAGATAGGCCTAC
CATATTTATTGAGATAATTGAGAGATTGGGATGCATGATGAAGGATGAAGAGGGGAAAGCATATCAGAAAAG
GAGGGTGTGGTGGCTTTGGAAAAGGAAACTTCTCCGAACCTTTCAAATCCATTGAAGAATACGAGAAGACTCT
TGAAGCCAAACGAGTTTCGGAGTCAGCTGATGCTTGAATCAATTCCATTGAGTCTAACATATCGAAGCCAC
ACTAATAAGGTACTTTATACTTGTGTCAGTAAAAGCAGCAATAGAAACCCAACGAAGCTATTTATTAGCTTCAT
GAGTTCTCTGTATAGTTTCTAATGCATCTTTATTTGTCTCATCTTAGTAAGTAATTGTGTGAAGTAAACCAACTT
CTATTAATAAAATCAGCAGCTGTTTTCGTATTGAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3618 NM_001051274|Oryza sativa Japonica Group Os01g0837600 (Os01g0837600)
mRNA, complete cds

GGCGCTTATGAGGGCTTTTGATTTGTTATCTTCTCTGTTTTTTCAGCAATATTTCTGTCCTTTGGTTTTCGCCGAAT
GTACTTAACATTATTCTATTTGGGTTTTGTCCAAATATTCTAGCTAATTTCTAAATATAGGTATACATAAAATA
GATAAATCATAGTATGTACCGCCCTAACAGACACCACTTTCTTCCTTGTTTTATTGCCAACCCCATGCCTATAT
CCGGATGGTCCAGCATCTGATAGAGAGATGCTTGCTGCTTCATATGAGTCGAGATGAGTGCGTAAAGGCATT
GGCTCACCATGCAAATATCCGTCCTCTCATTACACTTACAGTGTGGAAGGAGCTCCAGAAAGAGAACTCCGAC
TTCTTCCGAGCATATTTCCATACCATTCTCCCAATCCATTCTCGCCAAATTCACAGGGAGTGAGCGGAGCATC
GTCAGAAGACAATATCTCTACCGGAGGTGACCCGTTAATAATTTGTAATACCAATATATATATATATATATGATGA
TGATGATGATGATTAATTAATTCAAGCCTAGTTGTTTCTTGATCAAGTAAGCTCTTTTATTATTATTATTATTG
TTTTGGAACAAAGTATATATATATAGATAGATAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG
AGGAAAGTCTGAATGCTAAATGTAATCCTGTTTACTCAACCGATTACATTTTTTTGTTTACCAAATTGATAAAA
GGGATATCCTTGCACTGCAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3619 AY111313|Zea mays CL35554_1 mRNA sequence

GGCTAAATTTTTTTGTAGTTATTCATTTCTTACAATTGGAAGTCCGTCGTCTCTATGCTGATACCATTGCGCGT
TCGGAAAATCGGGAAGATAGAACAGTGATTTGTAGAGCGGCATGCCGTCCTCTGCATCAGCTCCGGCGTCTCC
TACGTCGGCGTCTCATTACAGAATTCTGCTACCCAACCTTCCCCTCGGAAAACTTGGCTGAGGCTGCAAACA
GTAATGACGCCGAGGAGAAGAAACCCGATTTGACAGATCAATTTGAAGATTTTTATAATTTCAATTCCATTGA
GAAGTACCAGAAATATGAAGCTGACTACGCTCAACGCCTAATGGCCAAATACTTCTCAAAGAAAAACCTCTAT
GGAGGAAACATCTTTGAAGAGAACACAAGTGTGACAATGAGATTATAAAGTCGAGCAAGTGGCCTTGTACA
AGGTCTTTGCTGATCCTTTGCAGGGTTTCGAAGATCATAGAAGCAGCTGTTCAACATCCGCCATGGAAAGCC
ACAGCGCCATCTCAAATGGGAAGCATGCTGTGAAGAAAAATGGATGATATAAGAATGAAGAAAAATGGGGG
TGGGACTTTGTGTAGCTTAGTGACGAGACTTCGGATTTTCGGGTAAATTGCAAAAACCATACCCCCCTTAACATTT
AACTGTAAAAATCGAGACCTCAAACCTTATATAAGTATTAATAAATAAATCTCAAACCTTAATAATTATTATAATT
TCTACAATTATATGAGGATGAGGATCCAACCTGATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3620 NM_001058091|Oryza sativa Japonica Group Os03g0796600 (Os03g0796600)
mRNA, complete cds

ATCGGAGTTTGAGATCGCTCGTTCCTGGAATGTACAAGACGATTCTTCAATTAATCCCGAATATCTTCGTGCG
GAAAAACGGATCGTTTAGGTCAAATCGTATCGATCGTATCAGAGGCTGCGAGACAGAGCTTGAAGAAGAAG
GGGATGCACTTTCGCCATGGAGGAAAGCTGAATACATGAGAGCTAAATGGCTTTCGCTCACATCAGATCCA

AGCCTCCAAACCCCTTCGGTGAAGGAGATCGAAATCACGAACATGGAGGAAAACGAGAACAACGAAGAATCG
CCGACAGAGACGGACTGCGGAGAATTGGAATTGATATTCGGAGACGAAGAGACGATGATCACATCAGGTGA
AAGTAATTCATCGCTTCATCGCCGCTCCGCAGGAAGGATTGTATGGCGGCAAGAAGGCGGCGTTGACAGT
GACGCCCTGGCAACCTCCGGCGATCAAACCGAAGAGTCTCGATAGAGGAGCTAAGATCGTTACGGGATTGGC
ATCAATTCTGAAAGAGAATCCGTAAAAATTTTGGGTTTTTTTTCTTTTAAAAATTTTCTTTTGTCTTTTTCTT
TTTTGTTGGGAAATGAAATATCATAAACAAAAGTAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAGGAGATAA
TTAAGGGGGGGTAAACCGTAAAAGTAAATAATAGTAAATGTGAGAAAATGTATGTGCTTTTGTTTAATTGAG
GAGGGGGGAAAAAGAAAGGAAAATCCTTCGGTTTTTTGGCCAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAA
A

>trans_s_3621 NM_001161160|Arabidopsis thaliana glycolipid transfer protein-related
(AT3G21260) mRNA, complete cds

ATTGATCCCTTTCTGCTTTATTTTTCTTGCATCTAATCTGATTGCCATGGTGGTTTTATATAAACAAAAATCAAT
ATAATGGTTTCGTGCAGATAGCTCTGAACTTATGCCAGATAGTGAAACCTTTACTAATCTCCTAATGGCCAAAG
ACGAAAACAACGATGCCCTCGTGAAGGAAATAGACTCCTTCATTTCCAGCTCGCACCTTTCTAGAAGATATC
CATAATATTCTGGTAACTCAAGTATTACTTTCAGCATTAGAACCAATTTAATCACGGTTTACCTACTGATCACG
TTCATGGGTTTTCTTTCCAGAGACTGTACAGGTTAGATCGCTTAAAGTCTGCATAAAGGAAGACCAATGGACA
AAAGAAGAGTAGTTTTCCAAGTTTTGAGTCATTTACATTTTCTTATGTATAGAAAACATGTAAATACAACCTGCC
ATAGGTAGCACAGGAAAGTTTTCTTTCCATCTATTTTATTACATACTTCTCATCTTTCTGCTTCATACAGATAT
AACAGTTAGGCTTGTAATGTAAGTGGTAGAATTACTATTTTACTAGACCGCACGTCATGTCTGTAATCTTTAAT
GTATAATATATGGTGTCTTTCTGTTAGCCAATGTCAACAAACAATTATCTGTATCTGATACCAAAAGTGGAAC
TGTAAGTGAATCTTCCCCAAAATGCAGTTTGGTGTACTAAGCAAAATTGTATGACCAAATTAGCCTCGTTC
TAGATCACTCTATCACAAGAGTAGTAAATTAAAGTCAGCAGAATGTGATAA

>trans_s_3622 AY054662|Arabidopsis thaliana Unknown protein (MIJ24.9) mRNA, complete cds

ACCCCCAATCATCGTTGTTTGAAGGTTTCAGGCGAAGGGAATAAGCAGCGATGTTGAAGTTCCTATCTAAAGTG
AAGATCGAATTCATGCTCTCGATCCACGTTTAGCGTGTGTATGGAATTCTTGGCGCAGTGTAAATGCTACCAA
GTCGAAGGAATCCAACCCCGCTTGCCAGTTGATCGTCAAGCGCCGAACAGACGACCACCCTCCCCAGATCGCC
GTCACCTTCGTCAATGGAGTGAAGAGGTTTTTACGCTACCTCTATTTCTGCTCAAACAATCAGGAATATGAT
TCTTGAAAAGGGTCAGCTCCTTGAGACCGAGCAAAATGTTCCGAGAAGCTGGGGAAGCTTGGCCCGTTATCATT
CCCGAGGAGGAGCTCAAACAACCCCTTACCAGTATCAAGCCTAGAAAAGCGGAAGACAATTGAGGATAAGG
GATTGGAAAGAGGCGTGGCATCTAGTTTCATAACCTTAGGCTGTCAACAACAGAATCAGTTTCCATGGATTAG
CAAGAGCGCTGATCCTCAGATGTTTTCTGTTTTAAATTTATAGGGATGCCTCCAAGTCTTGTCTTCTAGAATT
CCGCGTTGGGCTCTAAATATGATATGTGGATGCTGTTGGTTTTATAAGCAATTTATCTGTGGGAACCTCGTTAC
CAATACATGCTTTATAAGAAATTTCAAATTGGAAGTCTAGGATTTGCGTTGACGTGCGAGCTGACACAAACA
ATGCCAGTCTCAACTTTCTTACGATTTTGTAGTGAAGAAATGTGCAACTAATCTTTCAACTAA

>trans_s_3623 NM_001060984|Oryza sativa Japonica Group Os05g0112000 (Os05g0112000)
mRNA, complete cds

CTTGTCTGGCCATCAAACTGAAATTCATCAATGAGCTAAATCAAGAGGCAAAAGCTCTGCTAGAGAGGGCCT
TGGTGGAAAGCAACATGGAGAGAGAGAAGGCCATTTGAAGGAGAGTTTCTACTCACCTCCATCTCCTTTACA
ATCTGATGCTGAGTTGGATGATGCAGAATCTGAGGGGTGCGATCTCGAGTTATGCTGCATATGCTTTGAACAG
GCCTGCACTTTAGAGGTCCATCCTTGTGGTCATCAAATGTGTGCCATTGCACCCTAGCTTTATGCTGTTACAA
GAAGCCAAATTCCTCGACCAATTGTCCTACCACCCCGCTTTGCCCTTTTTGTGCGAGCAGCATTACTCAACTACT

>trans_s_3624 BT029027|Arabidopsis thaliana At5g01980 mRNA, complete cds

>trans_s_3625 NM_001058970|Oryza sativa Japonica Group Os04g0310500 (Os04g0310500)
mRNA, complete cds

>trans s 3626 BT011259|Arabidopsis thaliana At1g48330 gene, complete cds

[illegible]

TACCACTTTCCAATGTCTAATTTGTTTGAGAAGAGAGAGTCTTCAATTTTAAAGTCTCTTTTCTGTAAATTACAA
ATAATATTTTTAGTCATATCATCTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3627 NM_111005|Arabidopsis thaliana VMA10 (VACUOLAR MEMBRANE ATPASE 10);
hydrogen ion transporting ATP synthase, rotational mechanism (VMA10) mRNA, complete cds

ACCCATAACTTCTCTCCTCCCTCTTTTTTCTTCAACAACACCGATCCCGATTTCTCTGAATCTTCCAATTTCT
TCGCACCCGCAAACTCTCGATCTTCAGGGGAGAATATGGCGACTAGGGGTCAAGGTGGTATCCAACAATTG
CTTGCTGCGGAGCAAGAAGCTCAACACATTGTCAATGCTGCCAGAAATGCAAAATTGGCTAGACTGAAACAA
GCCAAAGAAGAGGCTGATAAGGAAATTGCTGCATATCGTGCCCAAGTCGAGTCTGATTCCAAAGAAAACCT
GCTGAGAGTAGTGAGATTGCGGAGCTAATGTTAAGCGGCTTGAAATCGAGACAGATGAAAAGATTTATCAC
CTGAAAGAAGAGTCTGCTAGAATTTACAAGATGTTGTGAACATGCTCCTGAAGCATGTGACGACCGTGAAA
AATTGAGCGTTCTTGATCATAAAGGTTTGCCGTAAGAACCTCTATATTATGTTATTCTTTTTGTGGTGCTGGAA
ACGGCTTAACTGCATGTGTATTATGGAGATGAATCCTTTCTTTGTATGGATAAGTCAGTATTTTCAGATTG
CACTCTTTGAATAATATATGATTCCATTCAAGTGTTCAGAGCTATGATTGATTAATTTCTTTTCATCTCTAATAA
TTATAGGGTGGGGGGGATTGAACAAATCCATCTTTGAAATGTTAATTGTATCTTGTGCGCTTGTCTATTGAGCT
TTGCTCGTTTATATTGAATGTTGTGAGATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3628 EF624239|Humulus lupulus SKP1 component-like 1 mRNA, complete cds

ATACATATTTGGTTTCTCTCTTCTCAAATCGCAAACGCTTCTCTCTCTCTCTGTATTCAAACCTCACCGA
ATCCCAAACACCCCAACCATGTCTTCTGGCCGAAAATCACCTGAAGAGCTCCGACGGCGAGATCTTCGAGGT
CGATGAAGCGGTGCGCTTGGAGTCACAAACGATCAAGCACATGATCGAAGACGACTGCGCCGATAGTGGAAT
CCCCCTTCTAATGTTACCAGCAAGATCTTGTCCAAGGTTATCGAGTACTGCAAGAAGCATGTGGAGTCCCCTA
AGCTGAGGATCGTACTGGCTCCGTCGACGATGACCTCAAGACTTGGGACAGCGAATTCGTCAAAGTCGACC
AGGCCACCTTATTCGATCTCATTCTGGCTGCAAACTATCTCAACATCAAAAGCTTGCTTGATTTGACTTGTCAGA
CGGTGGCTGACATGATCAAAGGAAAGACTCCAGAGGAGATCAGGAAGACATTTAACATCAAGAATGACTTTA
CACCCGAGGAAGAGGAAGAGGTTTCGTAGGGAGAACCAATGGGCATTTGAATAAAAAAAGAGTAAAGGGAT
GGAATCACTTATATGTTGTTAACTTTCTCTTGCATGCTGATTTGATGCTTGTTATCTGTTGTGTTAA
CTCTTGATGTTGTTGGGTGTTAACTATATATTCTACAATGTTATCTTTCATCCAACCTACCTGATTTGCGCTT
CAACATTTTATTAATATCCTAACTTGCCTGCTATTAATGAAAGGAAATACTTAAATCTT

>trans_s_3629 NM_001072883|Oryza sativa Japonica Group Os12g0194700 (Os12g0194700)
mRNA, complete cds

CAATCCCTTTAGCGCATTCAATCCCCCTTCGACAGTTCGACGTTACATTTTCGGCGATAAGATTCCGGCGACCTT
TACATTCGCGCGCCGCCCTTTGCACATTTAGATCGTAAGTTCGACGGCACGATTCGCCTTTACACGTTCCAATC
GCAAGTTCGACTGCACGTTAGATCGCAAGTTCGACGGACTTCACATTTTGGGTTCTTCATCTTGTGTTGTGCGG
GTTCTTCATCTTGTGTTGTCCAAGCAATGGAACATGGATCCTTTACAGATGAGACCAATCAACATTTTCTATGG
CTGATGAAGATCATACACTTGCAAATGCTCTCAGATACACTTTGAATCAAGATCCAAGAGTGACATTCTGTGG
GTACAGCATCCCTCATCTTCAGATAATCGAGTTAATATTAGAGTCCAGACAACAGGTGATCCTGCTAGAGAA
GTTTTGAAAGATGCTTGTCAGAACTTGATGGTGGTGTGCCAGCATGTGAGGAACACATTTGACAAGGCTGTGC
TTGATTTCAATCTCACCAAAGCAAAAGAAGAACCTGAGGGAGACATTAGTATCGAATAGAATGGGACCTTTGT
TTTTCTTTGCCTTGTAATTTACCTTTTTTTTTTTTTTTGTTAGTTTACAGTTTATTGAGATAGATTTGTTAGAA
AGAGATTAATTCGTTGAATTTGCTTGCCTTTATTGGTATCTCAACTGATGGCTTATCCCTCCCTTCAAGGATT
TCATGTTAAATAGTAGATTTGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3630 FN393041|Carica papaya mRNA for Cop11 protein, cultivar Sunrise

ACACATTCCTGAAACACACACACACACAAGTACGGTCACTTTCTTCCCTCCCAGTAAACCCTAATTCTCCA
TCCCCAATTCCCATTCTTCTCTCAATTCCCTCGATTTTCGATCTTCCCATCGCTATGCAAGGCGAGGACGAGCC
CTCTGGCAGCGCAACGATGGTCTGAAGACGAGATCCACGCCAACGGCACTACCTCCGACGACCACAACCGCAA
TAGACCCATTATTACTGGCGAACAGCTCGACATTGAAGCTTATGCTAGTCTCTATTCGGGTCGTACCAAGATCA
CTCGCCTTATCTTCATCGCTGACCACTGCGGCGCCGAGACTAACCAGACGATGCAGCTCGAGGCGCTTCGCAT
GGCTTACGACGAGATTAAGAAGGGCGAGAACGCTTTGTTGTTGAGGGAAGTTGTGCCGAAGATTGATGGTAG
GTTGGGGCCTAACTATGGGATGGATGCCGCTTGGTGTGAGATGGTCGAGCGGAGGGCTGAACAGAGGAAGG
ATAAGCTTGAGAATGAGCTCAATGCGTATAGGACTAATTTGATAAAAGAAAGTATAAGGATGGGATATAATG
ATTTTGGGGATTTTATTATGCTCACGGTGCACTTGGTGATGCTTTTAAAAGTTATGTTTCGTACGCGTGATTATT
GTACTACATCAAAGCATATTATTCATATGTGCATGAGCGCAATTCTGTGTCAGCATAGAGATGGGCCAGTTTACT
CATGTACAGAGTTATGTCAGCAAAGCAGAACAGACCCCGGAAGCCCTTGATGCAATTACTAGT

>trans_s_3631 X82030|P.vulgaris mRNA for RNP1 chloroplast RNA binding protein

TGTTACCCATCTCTCCCCCATCAAATTCACCACCATGGCCGCTGCCGAGCCGCCACCGGAGCCTCCTTCTTC
ACCACTCCCTTAAGGGGTTACGGTCCAAGCACTGGTTCTCTGATTCTCTCCTCGCAACTCCATCCACCCAAGTT
CTGCCCATATTGTCCCGCTCTCTGACCATTGAATCGCTCCGCTTAGAGCTTCTCTCGAGGAGGTGGCGGCCGGT
TCTGATCATCTCGGCCCGCTTGTACAAGGAGAGACGGCTGTGATGGTTGGAGTTGAAGAGGGTGTGGAGG
AGGAGACGGCGGTGGAAGGCGGTTCTCCAGTGGAGTCTGGGAGTACTAAGCTGTACTTTGGAATCTGCCTT
ACAGTGTTGATAGTTACAGCTCGCCGCTATCGTTCAGGATCATGGTGTCGCTGAGCTCATTGAGGTTCTGTAT
GACAGAAATACTGGAAAAAGTAGAGGATTTGCATTTGTAACCATGAGCAGCATTGAAGATTGCAATAAAGTG
ATTGAAAACTGGATGGAAGTCTTACATGGGCAGAAATTTGAGGGTTAATTTCTCAGACAAACCCAAGCCCA
AGGAACCTTTGTATCCAGAACTGAGTATAAACTTTTTGTCGGAACTTATCCTGGTCAGTAACATCTGAAATT
TTGACACAAGCATTTCAGAATATGGAAATGTGGTAGGAGCAAGGGTCATTTATAACGGAGAGACCGGAAAAG
TCACGTGGTTATGGCTTTGTTTCTTATTCAACAAAATCAGAAATGGAAACAGCTCTTGAAGCTC

>trans_s_3632 NM_100546|Arabidopsis thaliana aldo/keto reductase family protein (AT1G06690)
mRNA, complete cds

ATTTGGCTCACATCTTCTACCGCCATTAAGTCTTCTCTCAAAGCTTCTATTGCCTTCTCTTTCACCTTTTGCAT
GCCTGAGCTATGGCGGTGCATTTATGTTCCGTTTGTGTTTATCAATTCCTCCATTCAATCGCAGTAGAATTTTC
AGAGTTAGGGCTCTGGGGTCTGAGGGTTTTGGCACAATGACATCACAAGAAGACAATGTGAAATTAGGTGGT
TCTGAACTCAAAGTCAGTAGGCTTGAATTGGAGCTTGGGCTTGGGGAGATAACAGCTATTGGAATGACTTT
GGATGGAATGATGTGATGACGAAGGCTGCTAAGGCTGCATTTAATGCCAGTGTTGACCGTGGCATTACCTTCA
TTGATACTGCTGAAGTTTATGGCTCCTCACTTGCTTTAGGTGCTATAAATTCAGAACTCTTCTAGGAAGATTTA
TTAAAGAAAGAAAGGCCAGGATCCAGGAGTTGAGGTTGAAGTTGCTACAAAATTTGCTGCTTTGCCATGGA
GGTTTGGTCGTGAAAGTGTCACTAAGGCTTAAAGGATTCCCTCTCTCGCCTTGGTCTTGCATCGGTTGACTTG
TATCAACTTCATTGGCCTGGAGTATGGGGAAATGAAGGTTATATTGATGGTCTTGGAGATGCTGTTGAGCAG
GGACTTGTGAAGGCGGTTGGTGTTCAAATTACAACGAANAGCGACTTCGAGAAGCTTATGAGCAGCTCAAG
AAAAGAGGTATTCCACTAGCTTCAAACCAGGTGAATTATAGTCTTATATACAGACTACCGGA

>trans_s_3633 AJ421780|Persea americana chloroplast mRNA for RNA-binding protein precursor
(rbp33 gene)

ACTGCTCCTTATCCTCAATTCCTCACCCCTCACCTCTTTGGGTGTTAAGCCTTGTCTCTAAAACCCCTTCTTCTTCT
CCCTCTTCTATCCCTTCCTTTGATTAGTAATGGCTTCTACTTCAGCCACTTCCCTTTTCAAGCCTTTATCCAAGC
CGGATTCTTGCTTTCTCTCTTACCTTCTCTATTACTGGCAGACCCCCACATACTTTCTCTCTTTCCCTTCAAAA
TTCATCCCCTTCCATCTTTCCTCGTCGTCTTCCATTCTTCATGCTTTTACCCTTCAAAGAAGAAACCCCATCCTCC
CTCTGTGGCTCAAACCTCCGACTGGGCTCAAGAAGATGACACTATGACCATTGACCCAAAACCTCGACAACGAC
GAAGATGCGGAAGAAGAAGGCGGCCCCCATTGGGAAAATGAAGAGCTCAGTGAAACTGAGTCTCGTATTTCT
GATTGGGAAGGTGAAGGCGAAGATGGAGGAAGTGAGGCTGAAGTAGGAGGAGATGAAGAAGAAGAAGAA
GAAGGGGAACAAGGGCCTTATGAAGAGCCAAACGAAGATGCTAAACTGTTTGTTGGGAATTTGCCTTATGAT
ATTGACAGTGAAAAGTTAGCAATGCTCTTTGAGAAGGCTGGAAGTGTGGAGATTGCTGAGGTTATTTACAACA
GAGAAACAGATCGGAGTCGCGGTTTTGGGTTTGTGACAATGAGTACAGTTGAAGAAGCTGAGAAAGCTGTG
GATACCTTCAACCGTTATGAGTTATCAGGGAGGCTATTGACTGTTCATAAGTATGATC

>trans_s_3634 NM_001056045|Oryza sativa Japonica Group Os03g0240700 (Os03g0240700)
mRNA, complete cds

GAAGAACTAGAAGAATTAATTCTGTTGGGTCTCTTCTGTATTCTGTTTGTGAATTAGGGCAATTTCAATTTGATT
AAAAATGGCGTTGCAATGGATGCTTTTGGCTTATACGGTGGCAGTGGAGGCTGCCATCGCCATTCTCCTTACC
GTTCTTTCGCCTAAGTTGTTGAAGAAGCGTTTCGTCTCTTTGATTTCACTCATTCTACAACCTGCACTCTTCGTTG
TGCCCTTTGCCGGCTTTCAGATTCTGGATATCTACTGGAAGAATGAGCATCGGTTGATGTGCACATCTGAGATC
TGTAAGTCTGCTGAGAGGGATCGATATGAGAAATCTATCTATAAAGCTCAGAGGAATGTGATTCTGTGCGTTG
CTGCATGTCTTCTACTGGTGTATCTACCGCGTTTGAAGTACAACAAAGAGATCGAAAGTTTGGAGGAGGT
AGAAAAGAGATACAAAGAACAGTAGGTTTCAGAAAATATGAAATCCTGTTCCATGTTGAACGGTTTTTTTTTCT
TTCTTTCGCCACGGCTGTGTTATTCATACTTGAATCTTTGTTTGTACTCAAGTATTGGGAGTATCAACGTTACTA
GAACACTAAAACTTTGTTGATTTAGCGGCGTTCAAATATTAAGCTCCATGAAAAATGAACTCATACCATTACT
GTTGTTGGATTAGTGGAATAAAACAATTTTAGGTATGGACATAATTGCAAGGATATAGAATGATCTCGTGTG
TTTTATGAAGGAACTAGAGTTTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3635 NM_001060698|Oryza sativa Japonica Group Os04g0663300 (Os04g0663300)
mRNA, complete cds

AAAAATGAATAAAATGTAAGAGAAAAACCCTAAACTCTTTCATCTGTGCTCAAAGCCCACTTCTTCTTCTCCTC
TTCTTCTTCTTCTCAGGACGTCTCCTCCTCTTTTACGAGCTCAGCCTCGCCTCCGCGTCCGCGTCTACTTTC
TTCTGTTCTGTCGCGCGGAGCCTCCCCTAGCGGTTTTTTACTGATTTTCTACCCATTATTACTGGTTACAAATTT
TACTGGGACTTGATAGATTGTTGCGGTTGCATAAGCCATGGCCAAGCATCATCCTGATTGATAATGTGCAGA
AAACAGCCAGGAATTGCAATTGGCCGCTATGTGAGAAGTGCGATGGGAAGTGTGTAATCTGTGATTCTTAT
GTCCGACCCTGTACGCTTGTTGCTGTTTGTGACGAATGCAATTACGGGTCTTCCAAGGCCGTTGTGTGATCTG
TGGAGGAGTAGGAATTTAGATGCTTACTACTGCAAAGAGTGTACACAGCAGGAGAAAGATAGAGATGGAT
GCCCCAAGATTGTTAATTTAGGCAGTGCAAAAACAGATTTGTTCTATGAACGTAAAGAAATATGGGTTCAAGAA
ACGATGAAGCAAAAACACATTGAGTTTCCTCCTAAGATGGATCTTACTGTAATATGATGAATTTCTGACATCT
AATCTCAAACTCTCTTAGACATGTATGTATATGCTGATGAGTCAGAATGAGAACAGTTGTTGGGGCTAAGGC
TATTCATAAGAATTAAACTTTATCGATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3636 BT010634|Arabidopsis thaliana At5g38700 gene, complete cds

ACCAAAATTAATACTCCAACTCTCTACTTTTACTTCCCCACCTCCCTTCTTACACATCAAAATTAATCATTTTTC
AGCTCTCTTCAAATGCAAAACAAACGACACACCAATGTGGGTCGTAGAGCATGGAATCTTCTACGTTTAGCA
ATGATCTGGGCAAGAAAAGGTGGAGTTTTCAAGCGAAGGTTTCTCATGGATCTCCGCTTGTCCCTAAGTTCA

TTAAGAGTCTCGGTCACTCCACCCCTCGTGGTCGCCACCTACATTATGGCGATCATGAGCTTTCCTTCGATGAA
ACCCCTGTTTTTCATGTCAAGATGCATCGTCTGCCTCACTGCGCTTTCACCTCCCCTGCATTACTCCCCAAGCG
GTTGACTTCAAATATGAGTTTGACGCCAATGCTGATGATGACGACGACGATGATGATGTTAGTGAAGTTTGTA
GTTCTGATGACGAGCGGAGGAGTTCGGGATATGACGGTGGAGAGGAACGAGAGGATGATGATGAAGAAAA
TGGGATTGATTTGAGAGCTGAGAAGTTTATAGCTGAGTTTTATGAACAAATGAAAATGCAAAGACAGATTTC
TTTTCGCAATATGACAAAAATCGACTTTGAATAAAAAATAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGTTTTG
ATTATGAGTTTTGAGAGTTTTGTTTCATAAATATGTATACGATAAGATTCGTTTGATAAAGTTTTTGGGTCTTT
TCTTCTTTTTTTGGTTTTGAAAATAGAGGAAGTTTCGAGTTGAAGAGTTCAATTACCAT

>trans_s_3637 NM_001054976|Oryza sativa Japonica Group Os02g0805500 (Os02g0805500)
mRNA, partial cds

ACATCGCTTCGGTTTTAGTAGAACCAACACCAGTTCCTTACCCAACTATGCTGCCTTTAAACCTTCCTTTTTCTTC
TTCTTCCCTCTACCCACATCCTTAATTCTTCCCCAATCGAATTTATTCGTCTGTTCCGTCATCTTCTTCAATAAT
GGAAGACCAGAAACATGTTGGTCCTTTGATTTCTGGGCCGAAATCACTTTCCCAAGAACTCAAAGTCGCCGTT
GCAGCTGTTGAGATGGCTTGCTTCTTTGTCAGAGAGTTCAGAGCAACTTGCTTACTAGCAATGCCCAAATTCA
AGCCAAGGATGACAATCCCCCTGTTACTGTTGCTGATTGGAGCGTTTCAGGCAATTATCAGCTGGATTCTGTCCA
AATCTTTTGGGAGTAAAAATGTGTCCATTGTTGCTGAGGAGGATGTTGAGACTCTTTCCAAGCCTGGTGCTGA
CCGGCTTTTGAAAGTTGTTGTGGAACTGTAAATGAGTGTCTTTGTGAAGCATATCGTTTCGGATTGGAAGGT
CCAGAATGCACCCTCTGTACTTCCGAGGTTCTTGAAGCCATCAGCCGATGCAACTCATCTGGCGGTTCAACTGG
AAGATTTTGGACCTTGACCCTGTGGATGGCACGTTAGGTTTTATACGTGGGGATCAGTATGCTGTAGCTCTA
GCATTGATAGAAGATGGAGAAGTGGTGCTGGGGGTTCTGGGATGTCCAAATTATCCAATGAGAAAAGAATG
GCTATGTTACCATCCTCGCTACCCATTCATTATATCCAAATTATCACCTACAACATC

>trans_s_3638 AF180942|Arabidopsis thaliana RPP5 disease resistance locus, main contig

ATCTCAAACCTTGAGCTCTCAAGTCATCCACTCCCCTGGATTTCCCCGGCGACCGGAAAGCGAAGCAGATGAAG
AGATCATCGAGTGCCTCCATAGTCTCAGATAAGAGATTTCGTATATTCGTCTGTCGTCGTCGTCCTTTGTGCAATC
CGCAATCTTCAGATCTTCGAGTGTGAGTTTCGGCTTGGAATCAGAGCCTTACCTGCCAACGTTCAGTCCGTTCT
CTCACGCTGCCGAGAAGAAACGTCGCCATCTTAAGCTCGCTAAGATTTTCATCCACTCCATCCCTTTCATCATT
TCTTTTGCGCCATCGTTCTGTGGTTATTCTCCGATCCAGGTAAGTAACTCGAGTGAAAGATGCTCGTAGA
TCGAGATCGACTATTTGAATATTAAGATGACAAATAGCTAAAGAAAATATATTTTATTAGTAATTGCCGCCTG
GCTTGTAATATCTTTGTGGATACCAATGGATTATCGATTACACGAACAAGCAGAGTGCTTAAATCATTGGG
AATCCAGTCTGTAGACCTTGTGTCGTTATGTATGCGCTTGTTATTTTGATACTGTAAACGATTGATTGACTAGA
GGGGACAAGGATTGGTGGGAAGTTGTTGTGAATCTGTGATGGCTTATTGAAAAGTGTGAAAGACTTGAAA
GTGTATACTGTACTATACAGATTCCAACCTCAAGCTTCATGACTACAAAGCGACTCGGAGTTGGAATTAATTGA
ACACGATGTTGCTTTGTAGCTAAGAAATTTCCAAATGAAAGTGATACTATACTCTT

>trans_s_3639 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate
carboxylase/oxygenase, complete cds

CAACAAGGTGTCGCCGCTGTTGCCTCTGTCAACAGTGCTTCCCCTGCTCAAGCTAGCATGGTGGCACCATTAC
TGGCCTCAAATCCGCCGCTGCTTTCCCCGTCCTCGCAAGAACAACGACATCACCCTTTGGCTAGCAATGGTG
GAAGAGTTCAGTGCATGAAGACACAATTGTTGTCCACTAACAGAAGTTCGAGACTCTTCTTACCTTCCTGAT
ATGAGTAACGAGCAATTGGGAAAGGAAGTTGACTACCTTCTCAGGAAGGGATGGATTCCCTGCATTGAATTC
GACATTCACAGTGGATTTCGTTTACCGTGAGAACCACAGGTCACCAGGATACTACGATGGACGCTACTGGACCA
TGTGGAAGCTGCCCATACCCAACTGCACCGATTCTCTCAGGTGGTTAACGAGATTGAGGAGGCCAAGAAGG

AATACCCCGACGCATACATCAGGGTTATTGGCTTTGACAACGTCCGTCAAGTGCAGTGCATCAGTTTCATCGCC
TACAAGCCCCCAAGATTCTACACATCTCCTTAAATTCCATATGCTGCGGCTTTCTTGAGGCGAATTTCAACCATT
TGCCTTTTTTAAAGCTTCACACTTGGGTGGTTTCAACCAATTTCCCTCCTTAATTTTTTTCTTACTCTTTTTT
TCCAGCCCCCTTGCCCCGTAAAAACCAACAGACACAGGTTTGTCTGTGTCCGAAACAGCGTGGGCGGGAAA
ATCAGGGAACCTAGTGTTTCGTGACCCCGTACGATTGCTTTTCTATGGAATAAGTAG

>trans_s_3640 EU586193|Malus x domestica cultivar Fuji SKP1-like protein 1 mRNA, complete cds

ATTTTTTCACTTTTTGAATCTTTGAAATCGTCGCTTGTCAGTTAGGGTTTCTTCATATTCCCCGAATCGGGAACA
ACCCATCGACCAAAATTCTCTCAACACAATGTCGTCTCTAAGAAGATCGTTCTCAGGAGTTCGACGCGGCGAAAC
CTTTGACGTGCATGAAATCGTCGCAGTCGAGTCTCAGACCATCAAGCACATGATCGAAGACGATTGTGTTGAC
ACTGTTATTCCCTTGCCTAATGTTACCAGTGCCATTCTTTCTAAGGTAGTTGAGTATTGTAAGATGCATGTTGAG
ACCGATGATAAAGATTCTAAAGTCATTGATGATACTCTCAAACCTGGGATGCTGAATTTGTTAAGGTTGATCA
AAATACTCTTTTTGATCTCATCTTGGCTGCTAACTACCTGAACATCAAGAGTCTGCTGGATCTAACATGCCAGA
CAGTGGCAGATATGATCAAAGGAAAGACACCAGAGGAAATTCGAAAGACATTCAACATCAAGAATGATTTTA
CTCCAGAGGAGGAAGAGGAGGTTTGAAGGGAGAATCAATGGGCCTTCGAGTAGTAATATAATACAGTCATTT
TTAATTTGATTATATAATAGTAATTAATCAATGTCTTTGTAATGTCTATAAGATTTTAGGGAAGTTAGACTCTTT
TCATTTCACTTTCTGGGATGCTCTAAGTTGTAACCTCTCTCTCTTTTATCGAAGATCAATATCTAGTTTTTGTGG
ATTTTCATATACTTTTCTGTGGAAAGCAATGTCTCAACGTTATCATCTTTAACCTG

>trans_s_3641 NM_001066895|Oryza sativa Japonica Group Os07g0631100 (Os07g0631100)
mRNA, complete cds

ACATTCTCTAATACGACCTGCGGTACGATTGCTGCTGCGAACGATAATTCCTCCCAACTCGATCAGCGATCAGC
CTTAGGACACAGGATATGGGGAAACGTAAGTCAAGAGCAAAGCCCCACCTAAGAAGAGAATGGACAAGCT
TGATACTGTTTTTAGCTGTCCCTTCTGCAATCATGGGACCAGTGTGCAATGTGCGATTGATATGAAGAACCTGA
TTGGGGAGGCCTCCTGTAGGATTTGCCAAGAAAGCTTTAGCACAACTATTACAGCCTTGAGTGAGGCAATAGA
CATATATAGTGAGTGATCGACGAATGTGAGCGGGTCAACAACCTTGAAGACGATGCTGCCTAGAGGGATCA
ATTGGGGGAGCATGAAGCTTGGTGTTCCTATGAAAATGAAGCTGGCTAGTTTGAATTTCTTTTACGAACCT
AAATTAAGAGAGAGGGGGTCTTACTGGTAGGTATAACAACACTGCCGCCCTCCACCCTCCACCCTCATAGCGG
TATAGAATAGACAAGTATGTATGTACAGTAGTAATGTTGTAACGGCTTGCACTTGACTTTATTACGTATTTTCA
CGTATGTGTAATTTCTTTTAAAGTTTTTAAATCAAGAATCTTGAGTTGGTAAAGTTGTGTCGGATGGAGAGT
GAGTGGTCCTGAACCCTCCTTTATTATTGAATAATTCAATGCTTAATATAAATGAAATGTTTAAGGATGTTACA
GAATATTAATGGTTGCTATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3642 DQ365941|Vitis vinifera urate oxidase mRNA, complete cds

ATGGGTGTCTCTTTGGTATTGAAGGACTATCTTTGCTGAAGACAACCTCAATCGGGTTTTGAGCGATTTACAG
GGATAAGTACACAGCTCTTCCTGAGACACGAGAGAGGATATTAGCCACCGAAGTATCTGCTTCATGGAGGTAT
TCGTTTGAATCTCTCTATGGTATCCCCAAAAACCAGGGTACTTCACAGAAACATACCTTGACGTGAAAAAAGT
ATTAGTTGACACCTTCTTTGGTCTCCAAAAGAGGGAGTTTATAGCCCATCTGTGCAATACACTCTTTATGAAA
TGGCAAAGAATGTCCTCAGCAGGTTCCAAGTTATATCATCAGTGAAGCTGAAAATGCCAAATCTCCACTTCTTA
CCTGTCAACATATCAACTAAAGATAATCAGAGTATCGTTAAGTTTGAGGATGATGTGTATCTGCCAACAGATG
AACCACATGGATCAATTGAAGCTTCCTTGAGCCGCTTCACTTCAAAGCTATGAGGAAATTAAGCCTTTTCTGCC
TTCTTCTTTTTTTTTTCCCAGGTTGTTGTGCCTTTTCCCTTTGTAGAAAAAATAAAAATGAGTTATATCTCTCAAT
ATAAACTTTCCTGCTTGTAGATTAAAATCATTACGTGAAAAAAAAAAAAACATAAAAATGTTTATTTAAATTTA

AATGTTGATCATGGTCATGATCAGGTTGTTACATTATGGATATTCTGTTTTGTGTAATGTGTACACTAATGATA
AAACTTTTTCTTCTATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3643 FJ065101|Pinus taeda isolate 2103 anonymous locus 0_18315_01 genomic
sequence

TTTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATAAGATGA
GAAGATCACATCATGATTCGAGTAATATTTCAATTACTGAACAACAGAGACTAGGGTACAAAAATTTATCAA
CGCTAAGAAAGAAAAAACAGATCTAAAGCCAAGATCTACAATCCTCCATTGATTAATCTACAACCTAACCTC
CGAAACCATACAAAGTCCTTCCTGCCTTTCAAGGCATAAACCACATCCATGGCAGTCACCGTCTTCCTCCTA
GCGTGCTCAGTGTAAGTCACAGCATCACGAATAACATTCTCGAGGAAGATCTTTAAACACCTCTGGTTTCTTC
ATAAATCAAACCGCTGATTCGCTTCACACCGCCACGACGAGCCAAACGGCGAATTGCAGGCTTTGTAATACCT
TGAATGTTATCTCTCAAGACTTTCCGATGACGCTTGGCTCCTCTTCCCCAAACCCTTACCTCCCTTGCCACGG
CCAGACATTGTCATAATTTGGAGAATTGAAGAGACTGATAAATAATTCTTTTTGGGTGTGATTAATGATGATA
ACTGTGCAGAATTGAAGAATGGGGTTTTTGAATAAGTAAGGAATTGGAGGAAGAAAGGAGTGAAGAGATGA
AGAATATTTTTCTCTTTTTGCTCATCCTCTTCTCTCCTCTGTTTTGGGTCTGGGAATTGTCGAAAGGAAACA
GAGATAGAGAGGTTTGTGTGCTTTTCTGAAGGGTAATGGTTCACAAAA

>trans_s_3644 Novel Gene

AATTTTCTCAAAAATCATAACCCTCTTGTCTTTTTCTCTCTCCAATCCCCAATTCCTTAACCCTAACGCAACCC
ATAACGCTCGCGCGCTTCAAACCGCCAAATTTCCCTGGGATTTTCATGTGTTTCTGTTCCGTTTCGTGATTTTA
TTTGTTCGCCGTTGAAGAATCGTATCGATCTTGGTGTTTTCATCTCCGACGGTGGTTCCGGGATCTCGATT
GCTGCTTTGACGAATGGTGCTGTTTTGAGGATCTGATCTCTCGCCGCTGCTGGGTGATTTTGTGAAGATAAG
ATTTTCTGATTCTGTTAGGTTTTTGTCTGATCGGGTTGAAGACTCTCCGTGGTGGTTGCTTGCTTGCTGC
TTGCTCTTCTGTGGGGGATTTAAGGGTTTTTGTATCTCCCTTTTGAGTTATCTGTTCTTGACGAGCTTCTCG
ATTAAGGGAATCTCTACTGTTGCTTCTGCGATCTACGGAGCTCCATTGAGATTGAGAGGAGATCTTATCGTCT
TTGTGGTTTCGACTGAAATCCATTGAGATTTATTGTACTTTTGCCAGACGAGAATAACGGGAATTTACAGCGAAC
GAAGTTGTAGAAGCCCTCTTTTCGCAAGTCGATTGTTGATCCCGGTTTTGTTGAAGGGAGAAGTGTTGA
TCTTTGTATTGTTTCATTGATTTGTTGAGTTAAATATAAGGCCCTTTTCTGAAGGCCTTTGAACTTTTTTT
CTTTCTACNAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3645 CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

AATCAAGAAATTTGGCGGAAGCAGAGCGATCGCCGGTGGCTCCGTCGCGTCGCCTTCCTCTATCTCAGGGTT
ATTCTGTATAAATCATTGTATCTTCTTTCTGTTATTTAATCAATCATACTCCGGAATCTTCGCCTTCTACTC
CTATATTTACTCTTAAGAATGCTTCTCCATTCTTTAGCTTTGACTATTATCGCCTACCTTCTTTAGATGCAT
TCTGAAGTCCTCTCGGCTCGCCATTTCTGATCCTTGAGCTGTTTCCGTTGTTATTCTGATTGTTAATTAATAATG
GCGATGGCTGCCTTCAAATCCTCGTCAAGAAGAGGAAGTTCGACTTCGTCGACGTCTTCTCGAGCATTGGCG
CGTCAATATCTGGTCAAGATAGCAAGCAGAGTGGTAGTTCTCCTAAGAAATCTACTATCCGTAGATCACGAAG
CGTGAGTGCCTTTCCAGATCTAGCACAGCGGATGTTTCGGGAGATTTTTCGAATAGTAGAGATAATCCGCTC
TTCTGGAGTAATGGTTCCTCTCCACTGGAAGAAGCTCGTGCTGTTAACCTTGAATCTGATGGAAGTCCACCAG
AATTAATTTAGGAGGTCCGAAACGTGTGAGTTCTGGCGGTGTTGAGAATACGAGGGGACGATCAGTGTGAG
AAGCTCCGATTCCGGAAGTATAGTTTCAGGAAGCAGGAAAATCGGTGGCCGAAGCTTGTCGAGAGTANGCA
CTGAGCGGCGGGAACGCTCGGCGTCTGTGACTCGATATTATCCTGTCTCATCGCAG

>trans_s_3646 D83227|Populus nigra gene for extensin like protein, complete cds

>trans_s_3647 BT029757|Arabidopsis thaliana At4g24460 mRNA, complete cds

>trans_s_3648 AY527169|Citrullus lanatus var. lanatus NADH dehydrogenase subunit F (ndhF)
gene, 3' UTR; chloroplast

>trans s 3649 XM 002874049|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

CAGCGAGCAAGATGCTAACGACATGGCAGAGTTTCTTACTCCTTTATTGGATTTTGCACCTGAAAAGAGACCA
ACAGCAGCACAATGTCTTAGCCATACTTGGCTCAGTTCTGTCCCAAGAAATCTCGAGTGTTCTGTATCAAGCCA
TCAAAATCAGCCGGTAGATCAACCTGCTTCTATAAAAGTAAGTGAGAAGGATGAAAGAGAAGCCATGGAGAT
TGGAATGGGAAACATAGCTATCGATGGAACCTTCAAAATCCACCTCATCGAAATTGACGTGACTAGAGATGTAA

>trans_s_3650 AB014760|Cucumis sativus mRNA for cystein proteinase inhibitor, complete cds

>trans_s_3651_AY108350|Zea mays PCO126681 mRNA sequence

>trans_s_3652 XM_002870958|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family protein, mRNA

GTCTCATTCAAGCCTTTTCCAACAACATCACTTCCCCTTCTCTTTCTTTTCATTCCACACTGAATTTTATGCCACAC
TCTCTCATTCTCTTTCCACGTCTCCGGCGACGCCATTCTACTTCTCTGCCAGTTGGATCTGCGGACGCTATGAC
TTCCGCACTGCCGCCCTCTTATACTACTAGTCATCTCCTGGAGTAGGAGCTTCTACCGGCGAGCCGGACAATT
TTGGAGATCAAGCTACGGAGTTTCTTAAAGCGGCTGGAGAGATGGCTCTGGAGTTCGGGAAAGGGTGTAGG
GATATTGTGGTGCACAGTTTTGGTGATAATGAATCTTATCTTGTGAAGACGTTTGGGAAGGGATCGCTCATTG
AGAAAAGAGTGAGAGGACCTTGTGAGAAGGTTTTTGGTAAATTGCGATTCTTCAATGAGTATTTGCCTGAGG
ATAAGGATCCGTTTCATGTTTGGATGGTTATACTGTCCGTTTTGGTTTTGGTTTTAGCAGTTTTAAGTCTAAGTG
CTGAACGGGATGATATTACCATCTACCGATTAAGAAGATTATATTCATCCTCCGAGCGCCAGGCGAGTTAT

GCTTCCAGATGGTAGATTCTTGGCTTACAAGGAGCAAGGTGTATCAGCAGAAACAGCTAGGTTTTCAATGATC
GGTCCTCATACTTTCTATCTTCTCGGCTTGCAGGAATGCCTGCGCTTAAGTCTTCGTTGTTGGAAGAGTTTGG
GAATCGCTTGTGACGTATGATCTCCCGGGGTTTGGTGAAAGTGATCCTCATCCTCA

>trans_s_3653 NM_128769|Arabidopsis thaliana lactoylglutathione lyase family protein /
glyoxalase I family protein (AT2G32090) mRNA, complete cds

TCGATATAAGAGCTCGAAAATCTCCGACGAAGCATCGAAATCGGCTGAGTTCTTAAGGAAAATGGCATTTCCTG
GTGGCGAGAGCAGCGTCTTGTCTACATAGCTAGAGAATCTTCCAATATTCATCGCCTTTCTCAATTCTACAA
AGAGATGTTTGGATTGAAGAAATCGAGAGTCCAGATTTCCGGTGCACCTCAAGGTTATTTGGTTAAATCTTCCTT
CTGCCTTTCAACTTCACCTCATCGAAAGAGACCTAATTCCAAGCTTCCCGAAGGACCGTGCAGCGCCACGTCA
CCCGTTGCTGACCTAGCCATCTTCTCGAGGTCAACCATCTGTTTCTCTGTTCCATTTCGAATTCGACTCTC
TCGTTTCATGCTCTCAAGGAAAAGGGCATCCAGACTTTTGAGAAGACCCTTCCAAATGGGAAGGTAAAGCAAG
TCTTCTTCTTGTATCCGGATGGTAATGGATTGGAGATTGCAAGTCGGGAAGATTGAGTAAGATCTAGCCTACA
TACTGTAATCAAATGTAATCTAGTGACGGTTTTAAATGGGGGGTTCATAGCAGAGCCTTGTTTCGACAAACTTA
TAATCAACGTGAATAACCGTATATTTTATTACTTAATCTTCTCATTCTTCCCTCTTCCACTTCTCATCTAAAGTGTT
TGTTGAAATTGATAGATAGACTTGTGTATTGAACGTTGGGAATGTGAGGAATTGATATAATAAATGGATGAAA
TTGGTGTCTGACTGAACCAATCAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3654 NM_129486|Arabidopsis thaliana PGP1 (PHOSPHATIDYLGLYCEROLPHOSPHATE
SYNTHASE 1); CDP-alcohol phosphatidyltransferase/ CDP-diacylglycerol-glycerol-3-phosphate >
(PGP1) mRNA, complete cds

AATTCGAATTCGTCCGAAAAACGAGGAGGGGTTTTCGGGTCAGGATCAGGTTCTGATTCTGTTTCTCCTCCATC
TGCCGGCTCTGAATTTGTGGCTGATATGGGTTCTGAGAGCAAGGATCATAACAATGTCTGGTTCCAAAATAAC
TTCCATAACCAGACTCCGTCGCCATTAACGCACCAACATGAACCACAACGTTCCAAATTACTCACATTGCCAC
CATTTTGACGCTTGCCCGCTGGTTGCTGTTCCGATATTTGTTTGCACCTTCTACGTTGACAACCTGGTGGGGAA
CGACTGCGACAACCTAGTATATTTATTGCTGCAGCAGTTACAGATTGGCTTGATGGTTATATTGCTCGAAAGATG
AGGTTAGGTTCTGCTTTTGGTGCGTTTCTGATCCAGTAGCTGATAAGCTTATGGTTGCTGCCACGCTGATCTT
ACTCTGCACACAACCTTTAGAGGTTTCTGTGTTTGGTCACATTCCTTGGCTTCTGACTCTACCTTCAATACCAAT
TATTGGCAGGGAGATAACCATGTCTGCAGTTAGAGAATGGGCTGCTTCCACAATAGTAAGCTTTTAGAGGCT
GTGGCCGTAAATAACTTGGGTAAGTGGAACAGCGCACACAGATGATTGCGCTGACCACCCTTCTGGCTAG
TCGAGACAGCAGTCTTGGAGGATCTGGAATTGTAGTAGCAACTGGCGTCGCTTGTGTACATATCAGCTTGG
CTTGCTGTGTGGTCACTATTTGTTTATTCTCGTAAATATCAAAGTGTTGCTTCGCT

>trans_s_3655 DQ226613|Boechera divaricarpa isolate SLW-3-G03 mRNA sequence

ATTCTCCCGAAGCGACTGGCTCGTTACCACTGAGAAGCGTGATCAAGAGGAAGAGACGAGAGTTTTCCGACT
ATGTTCTGCGAGCGATCGGACGGCCATTATTGGCCAAAGTGAAGCAAACGACGGGGATCGTCGGTCTGGAT
GTTGTTCCCAACGCCCCGAGAGGTCTTGATCGGCCTTTACAGTAAAACCTAAAGGAGATCCAGGCCGTTCCCG
AGGACGAAGGATACCGTAAGGCGGTTGAGAGCTTCACGCGGCACCGTTTGAAGGTATGCCAGGAGGAAGAA
GACTGGGAGAATATCGAGAAGCGGCTTGGCTGTGGTCAGGTCGAGGAGCTAATCGAGGAGGCCAGGACGA
GCTCAAACCTCATTGCTAAATGATCGAGTGGGATCCCTGGGGTGTTCTGATGACTACGAATGTGAAGTGATC
GAGAATGATGCTCCAGTACCGAAACACGTTCCCTTGCACCGACCAGGCCCTCTCCCTGAAGAGTTTTACAAGA
CGCTGGAGGCCATTAGTGGTGATAGTACTAGAAAAGTAGAGACAACCGAGAAAGCATCTCAGGTGACAGAAT
GACCTCATTTTTATCATTTGAAGGATTCGAGTTTCGGGATTGAAAGCCGTTCTCTGTTTTTGGCTTTGATGTTAT

CTAATTATGTTTGTCTCCGATAGAGTGCCTGTATGCAGGAATGATTATTCACAAAGTCGTGTTTCAATAATCTT
TATCCAATGCTGGAATTACATAAGTTCACTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3656 AJ459484|Datisca glomerata mRNA for monosaccharide-H⁺ symporter (ht1 gene)

ATCTTTTGCCTTTCAGTTCTCTATATATTTCCATATCTCCCTAGCTTCCTCTTCTTTTCATTATTCATTTCATTTT
TGATTTGCTCATTGTTTGAATTTTGTTCGTGAAAATGCCTGCTGAGGCTGCAATCGTCTCCGGTGATACCAAAA
AGGAGTATCCCGGAAATCTTACTCCCTTTGTTACCGTAACATGCATTGTCGCTGCTATGGGCGGCTTGATTTTC
GGTTACGATATTGGAATTCAGGTGGTGTGACGTCCATGGACTCGTTTCTGGAGAAGTTTTTCCGGATGTGT
ACCGGAAAAAGAATTTGATGGCAACCAAAACCAATACTGTAAATACGATAGTCCAACCTTTGACGATGTTTAC
GTCGTCGTTATACTTAGCTGCGCTGCTTGCCTCACTCGTAGCCTCGACGGTGACACGTAAGTTCGGTCGTAGG
CTGTCGATGCTCTTCGGCGGCGTTTTGTTCTGTATTGGTGCCATCATTAAATGGCTTTGCTAAAGCCGTTTGGAT
GCTCATTCTTGGTCGCGTTTTGCTTGGTTTTGGTATTGGATTTACAAATCAGTCGGTACCACTATACTTGTCCGA
AATGGCTCCATACAGATTCAGGGGAGCATTGAACATTGGGTTTCAATTATCGGTGACGGTTGGTATTCTAATA
GCCAATGTTCTAAATACTTCTTCGCAAAGATAAAGGGCGGTTGGGGGATGGTGTCTGAGCTTGGGTGGAGC
CATGTTCCGGCCTTAATAATCACCATTGGATCATTGGTTCTTCCAGATACC

>trans_s_3657 DQ296036|Arachis hypogaea chloroplast thioredoxin M-type mRNA, partial cds;
nuclear gene for chloroplast product

TTCTTGCCCTAGTTTTATCCATCTCCAAAATGGCACTCGATAACTGTATACAATTGAGCACCGCCGCCACCATGT
GCGCCGCTGCTTCCATACCCAAATCTCACTATTTCTTCAACAGCCAATTTCCCTCAAAAATTATCCTTCTCCAC
GCTCTCCCTTCAACGCCTTAACAAATCCCCACTCCACTTTCAGAAAACCTTCTCCGTCACGTGCCAAGCTCG
TGGAGCCGTCGACGACGTGAAAGAAGTAACAGAATCGAGTTGGAATAATTTGGTGGTGGAGAATCAAAAAG
CTGTTTTGGTTGAATTTTGGGCTCCATGGTGTGGACCTTGTAAGATAATTGAGCCAGTGATTAAGGAATTGGC
AGCAGAATATGCTGGGAAGATTGAGTGTTTGAAGCTTAATACGGATGTTAGTCCAAATGTGGCTTCCAAATAT
GGGATTAGAAGTATTCCTACGGTTCTGTTTTTAAGAATGGAGAGAAGAGAGAAAAGTGTTATTGGGGCTGTG
CCTAAATCTACTTTGGCTGCCTCCATTGATAAGTATATTGAGGTTTGATTTTCAAGAAATCCCTTATTATCCATTT
CACCACATACTCTTCTTCCAATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTGTATTGTATATCATCTTGTGTTAAATGG
GAAAACTTTGTCCATCTCTTCTTAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAG
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3658 NM_112496|Arabidopsis thaliana NDF4 (NDH-DEPENDENT CYCLIC ELECTRON FLOW
1); electron carrier/ iron-sulfur cluster binding (NDF4) mRNA, complete cds

AAACACTTCATTTCTTCAACCTTCAATCCCCAAAATGGAGACTCTCCATCTGGGTTCCATACCATTTATCATCTTC
ATCCACCTTTCGTTCCCTTCAACTACATTACGAATTCCTCCACACCCCTTAAACGCTTTCGCTCTCTTACTTTCCGT
AGAACCCAAGTCAGAGCTGTTGGCACTGTTTCCAGAGTCAATCTGAAGCCACTGACCCTGAGGAGCCTCCGA
TTGTGGATTGGCTTTCGTTAATTCTGTGTTGCTTCTGATGGAATCCAGATGTGCACTTTCGTCGAGCTTGTG
GCGGGCAAAAGCTTAGAAACATAATGTTGGATTCTAATATTGACTTGTATGGACCTTATTCGAGATTTCTGTTG
AACTGTGCTGGTGGAGGAACCTGTGGGACTTGTATGGTGGAGATTGTTGAAGGGAAAGAGCTACTGAATCCT
CGTACAGACATAGAGAAAGACAACTCAAAAGGAAACCTAAAACTGGAGACTAGCTTGTCAAACCACTGTG
GGGAAACCAGATTCCAGAGGGATGCTTGTGTTCAACAGTTGCCTGAGTGGAAAGCTCATGAATGGGGCTAT
GAAGAAGTAGATCTTTCAGAGTTATCTGAGTCTGCATAATTTAACTCTTCTACTCTTTTTGACCTATCGGAGTC
AGCTGTGAAGATTGAGCTATGGATATTAATACTACTCATCACTTTGGAGCCTACAAAGACAAGCTCCCTGCCTCA
GTATCATCAATGTAATTATTCCTTGTCTATATTCAACAGATCCATTCTTTTG

>trans_s_3659 AB196794|Glycine max Gm crt-1 mRNA for calreticulin-1, complete cds

AACCTCGCCATTTCTGTTTCTCCTTTCCCAACTCTCTCTAGCTTTCTAAGCTTGAAGCCATGGCGTTTAGGGTTC
GGAACCCTAATTTACTTTCTTGATCCTTCTATCTCTCCTTGCTATCGCTTCGGCTAAGGTGTTTTTCGAGGAGC
GTTTTGATGATGGATGGGACAAGAGATGGGTAAATCCGACTGGAAAAGAGACGAAAGTTTAGCGGGAGAA
TGGAACACACCTCTGGAAAATGGCACGGAGATGCCAATGACAAAGGTATCCAACTAGCGAAGACTATAGA
TTCTACGCTATTTCTGGCCGAGTTCCTGAATTCAGCAACAAAGACAACATTCTGTTTTCCAATTTTCCGTCAAG
CACGAACAGAAGCTTGATTGTGGAGGTGGATACATGAAGTTGCTTAGTGGTGACGTTGATCAGAAAAAATTC
GGTGGTGAAACTCCTTACAGCATCATGTTTGGCCCAGATATCTGTGGCTACAGTACCAAGAAAGTGCATGCTA
TTCTCACCTATAATAACACTAACCCTTGATCAAGAAGGAAGTTCCCTGTGAAACTGACCAACTCACTCATGTT
TACACCTTCATCATTCTGCTCTGATGCCACTTACAGCATCCTCATCGACAATGTAGAGAAGCAAACAGGTAGTTT
GTACAGTGACTGGAGCCTCCTTCCCTCCAAAGAAGATCAAGGATCCTGAAGCCAAGAAGCCTGCGGATTGGGA
TGACAAAGAGTACATTCCTGATCCAGAAGATAAGAAGCCAGAGTGATATGATGACAT

>trans_s_3660 NM_123343|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein-related (AT5G39800)
mRNA, complete cds

ACCACTGGCTTTCTGCTCTCTCTTTTCTTATTCTCCGCTGCCGCCGTAGGTTACCTGTTTCATCTCTTACCTTCAG
CGGGTTTAAATTCACCGCCGTGGGATAACTCCGACCGCCGCTTTAACCCCGCAAGACACACGGACCACCCG
TCTGACAGATAACCTAGCCGAATAAATTTCTTAAAGGTTCTTTTATTGTTCTTTTGTGTTGATTTAGGCGATA
AACTTGAGAAATGGCGTTGGGACTAATATTGGGACTCGGAAGAGTAATGCGGAGGAAGCGTACATCTTCTCT
CGACATTCTTTCATCTAAACGAGCTCCACGAGATTACTACAAGGGCAAGAATTGCAAGCCTACTGGTTTTCTA
CACGCAAAGGTGGATATGTGGTGGTGCCAGAGAACTGCCTAACTATGTGTCCTGATTGTCTGATTTCAA
GCTCAAGCCTTATGTATCTCAATGCCCCATAGAACTTAATACAAGTGACAACACTGAATCAGCCAAATCATAAG
CGAAGAGGTAATATGAGACGATGTTGGTGATGGCATCGAAGGGACTTGAAGCAAAAGACCTAGAATTCTTT
TACTAGTTGTTGTTAGCTAGTTCAGGCTCTATTTGTTTGGTCTTGAATTGAAAACTTGTTTTCGAAGAACAAT
AATCGAGGAGGAAAAACAAGACAGGACGTTTGGAGATTGAAAGTTTTTGAAGTTGTGTTTGGTTTTAAATTT
GACAAGTTTTAAGATTATCGTGCCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3661 NM_103731|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L18 family protein (AT1G48350)
mRNA, complete cds

AAAAACCATCGCGCAAAGTGGATAAGGCAACCCCAACTCAACTACAAAACACTATCAAATCCCCAAGAAGAA
GGAGACGAGAGAAGCAGGGCGACAATGGCTTCAACCACTGCTCCATGTTTCGTTCTGCGCACTTCTTTCTAA
GCGTATCTTATTACAGAACATTCTCAACCGTCCCCACCTTCATTTCCGGCAACTACTTCAAGTTCCGGCCGTC
ACTCTCTTGTTGTGAAGCCAAGGCTACGACCAGACGAGAGGACCGTGCAGCTCGCCATTCTCGCATTAGGAA
GAAGGTTGAAGGAACAACGGAGAGGCCAAGGTTATCTGTTTTCCGTTTGAATAAGCATTTGTATGTACAGGTT
ATCGATGACTCCAAGATGCATACGCTTGCGGCAGTTTCTACAATGCAGAAATCAATCTCTGAGGGGTTAGACT
ACAGTGCTGGCCCTACCATCGAAGTGGCAAGAAAGTAGGGGAAGCGATTGCAAAATCTTGTTGGAGAAAG
GAATAACAAAAGTTGCATTCGATCGCGGTGGATATCCGTACCATGGACGAGTAGAAGCACTTGCTGATGCGG
CTCGTGAACATGGCCTTCAATTCTGAGAATCCTTGTTGTGTTTTTTTCATATCTTTTAGCTTGGTATTCTGTAAC
AGTGCCATCATTTGAGATTATTTTCTGTTGATTAGACGAGAGTTATAGTCGTTTGACCTGAAATTAAGAGGGA
AATTGTTTATTGATTATCTTTCTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3662 EF194053|Populus tremula x Populus tremuloides xyloglucan
endotransglycosylase/hydrolase precursor XTH-3 mRNA, complete cds

CAATCTGTACGGAAACGGAAGCACGAACCGAGGGCGGGAGGAGCGATACCGGCTTTGGTTCGACCCGACCA
AGGAGTTTCACCGATACAGCATTCTTTGGACCGCCAATAATATTATATTTTACATAGATGAAGTTCCGATTAGA
GAAGTGGTGAGAAATGAAGCAATGGGTGGAGATTACCTTCAAAGCCAATGTCTTTATACGCCACAATTTGG
GATGCTAGCAATTGGGCAACATCAGGTGGCAAATACAAAGTCAACTACAAATATGCACCTTTTGTCTGAATT
CAAAGACCTTGTTTTGGAAGGCTGCCCTCCGATCCCATCCAGGAGGTTCTAGAACCTCCGACTGCTCCGACA
CCATCGCCCGCCTCAATGCCCAAGACTTCGCCACCATAACACCCGAGCGCCGTGCTGCCATGCGCAACTTTCGC
CAACATTATATGTACTATTCACTGTTACGATACACTCCGATACTCAGTCCACCTCCGGAATGTGTATCATC
CCAACCGAGCAACGGCGTTTCAAGGACTCTGGACGGTTGAAGTTCGGTGGCAGCCACCGCCGTCGCTCGAGG
CGGCGCAACAGAAACCCTAGTGTTTCATTGAATAACCAATCTAGTATGTAATAAAGTGTGTGTGTGTCTTCA
CAGATTATAGAGATGAAGTAAAAAGGTATTCTTTATTTGTTTGTGAACCTTGTGTATTTATGTTGTGTTCAAT
AATGCAATAATATAAATCTATTCGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3663 EU706339|Gossypium hirsutum NAC domain protein NAC2 (NAC2) mRNA, complete cds

CACGAGTACCGGCTCGCTGATGTGGACCGCTCGGCTCGCAAGAAGAATAGTCTAAGGCTTGACGATTGGGTA
CTATGTCGCATATACAACAAGAAGGGGGCAATCGAGAAACAGCACCCGCCGAGATGAGCACGATTGGATTCT
TTGAAAATGAGGAACAAGAGGAAAAGCCGAAATCTGAATGACAGAGCAATTTCTGGGCGAATCCCGTCG
GCATCTCCTTTGCAAGGTCCGCCATCGTCTGGCGTAGTTAACGATTACGTGTACTTCGACCCGTCAGATTCAAT
TCCTCGTCTTCATGCGGACTCGAGCTGCTCGGAGCACGTGGTGTGTCGCGGAGTTCACGAGTGAAGTACAGAG
CGAGCCTAGATTGAAAGAAGAGTACTGTGGATTAGGATTCCAGTATAATTACATGGACAGTTCATTGGACAAC
GCATTCTGTGCTCAATTTCTACGTTAAATCAGATGTCGCCATTGCAGGATATGTTTCATGTACAAGCCATTTTGA
ATTTGAATTGGACATGTCATGTCAGGAATTGAGTTGATGGAATTGTACGGTGGCTCGAGACGACGGTGGTCG
ATGACTGCGCCGTGGGATAATTTGCAATCGCAATAAGAAAAATCTGGTCGGCGGGGATTGAAAATTTAGCG
ATGAGCGATTTTAGCACGTGTGTTGTCGATTGTACATAGCGTGTCAAACGTGCCAGTTAATGGAAAAACGTT
TTAAATATTGTTAAATATGCGATTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3664 AL161561|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 61

TGTCCGTCTCACATCCAATGGCTCATCTGTTCTATACCTAAATGGCAGAAAGAAGGTTTGAGAATGCATCTGTA
GTAGAAAGCTTCAAGCTTTATGATCATTAATCTGGCCATTTTCTTTTCTTTCTCTCGTTCTAAATGGTAGC
TAACCATATCCATTTGTTGATGTTGATATCTGAATCTTTATTCGCCACCCATTAAGATTCTAATTCACGAAATTT
TACGTATAGGATCATTTTTTTTATGGTGAAATTTGAGGATTTCTATGAAAATTGTGTATTGGGTATATGTATTA
GCAAGGACAATGATATATTTTTTGGCATTAACTTTATAGCACTGGTACTGAGGCTCCTTGAGTATAACCGTA
TTTTTGGTGCCTAATCTCGATGTGCTACAATAAAAAGGGATCCGCTTTCAGCTTAAGCTTCTAATTGTATTGCG
TGCCTGTAATGCCCTTACATTACTAATGGCATTAAATATATCTTCCAATCTTTTATTTCTGCCCGTTTGATTAT
TTAGATTTTCAAGTTAATGTTGTGACATCTCTGAAGCTTCTAATTAATTTTTTTAGGTTTGCAGTTCAGGGGATCT
TAAGCCATTGTTTCTTGTTTGAATCCAAGGGCTGTCAAGTGTTCCTGATACTTATTTTGGGTCATACTGTACTTT
TGTAAGGAAAGTTTATACCAATTCTTCTATTTGAAAGCACTGTATCGTATCAAGAGTGATCACCACAGATT
TGATATCTCATGACTGTAAATAAATACCAGCCTTTCCAAAGT

>trans_s_3665 AF347666|Glycine max translation initiation factor IF1 (infA) mRNA, complete cds;
nuclear gene for chloroplast product

AAAATCAATTCGGAGCAAACATGTCGAGCACAAATCTCCTCCAATTCCTCTCCTTCAATCCCACTTCGCCCCAC
CGTCCACTCTTCTTTTCCCCCGTCAAATCCCATCTCTCGTTGTCTCAATCTCTTCCCCACCTCCCAATTCCTC
CATACCCCTTCCCACGCTCCTCCAGGCTTCGCTCTCATGGCCAAGTCTCCAAAAACGACACCTCCGAGCAGAA

ATTGAGCCATGAAGGATCCGTCGTCGAGCCTCTTCCCAATGGGATGTTTCAGGGTTCGATTGGATAATGAAGAC
CTCATTTTAGGCTACATATCCGGTAAGATTCGGAAGAATTTGTTCTGATTTTACCTGGTGATAGGGTTAGGGT
TGAAGTTAGTCGTTATGATTCTACCAAAGGTCGAATTGTTTATAGACTTCGAAGTAGTGGTAAAGACTCATCTT
CATGAATACTAGTTTTGGATCATTATTATTACTGTTGTTTTGTTGTTCTTTTTGCCTTTAATGTGTTGATT
TTGTGACATAGTGTGTACATTGATCCCTCTTTTTGTTTTGCCTTTTTAGAACGTAAAATGACAAACATTTAGTT
TATTTGAGCTCCTTTGGCTTAGTGATTTGTATTTGTGGATGAATCACTAGGAGTATTAGAGCTTGTGAATTTAT
GTCTTGCTTGTAACTCTTTGGAATAAGAAAGAGGAGTTTCTAAATGATCCTAACCTATCAATTTAAGATTTT
GGATTGATGCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3666 XM_002297940|Populus trichocarpa inner membrane protein, mRNA

TACTCGCCACGCACCGATACCGGCCTCCTCCCTTCTCTACTTCAGTCTTTGCGATCGCCGGCGAGCTCACCGTC
AGCTGAAAAGCAAGATAGCAATCTGAGAAAATTAATCAATTGCATGACTTCACCCTAGACAAGTATCAATGGC
TTACCGGCGCAGCCTTTGCACAAGAGGGAATCTTATAGCTCGACAATATCATCCATCGATTAGTGTCTTTGGTC
AAACCGATGACCGTAAAAACAGCATTTGGATGAAGATTCGATTTCCACGACAGAATCAATAGTTTCCTGCA
GAGGAGATCATTTGGAACCAGCTTTAATAAGTCGTCCAGGTCTAATTTTTTGTATTTGATAGAAAATATCCAA
ACATTTTCATCTCGCTAGCGCTGGTTCTTTTTCTGTCGCTACATGTCAAGTACCATTGGTGAAGGGTCTGAA
AACATTGAATTCATGAGTAATGTTGCAGAAGTTCTCACAGATACAACAGTTCAATCAGCTGCATCTCAGGCTGC
TGCTGCTAATGAAGTAGCCCTTGCTGCTGCTGATTCTTTCCCCCTGTCAAGGGTGTGCAGTACTTTATAGATG
CTATTCATTCTTTACTGGATTAAATTGGTGGGCTTGCAATTGTATTAACAACCCTATTGATTCGTGGTGCAACAT
TCCCTCTTTTGATAAATCAACTCAAATCTACTGCCAAGCTTACTTTGTTAAGGCCTCACTTGAGGAAGTTAAG
AAAGAGATGCAAGAAAAGGTACGGATCCAAGGGCGGTTGCTGAGGGTCAAC

>trans_s_3667 DQ792722|Glycine max transcription factor bZIP54 (bZIP54) mRNA, partial cds

TTCATATAGCAGATGTGCAGAAGATTGTCGAGAGGTCCCAATCAAATAAATTGGTAGGTGACTTTGAGTGG
TTGAGAAAAGAAAATACCGCAATGGCTAAGTTATAAAAAATCTCCACCACTTAGTGGTGATACAACCTCTGTG
CTCAACTGTACGTATTGGGTGACGTGTGATTGTTGTATCATATAAAAGAAAGAGAGAAAAGAAAAGAAATGGT
AAATCTAGGATGAGGATAATGCTTATGGGTCCCATGAGTTGCAGCGTTCAAAGTGGGATTTCTCCGAATCTCG
CTGGTTCCTTCACTTTGGTTTGCAATCCCAATCCGAGGAGAGTTTCTTCATTCTTCCAGAAATAGAAGTAGA
ATTAGAATTAGAAGTAGAAGTATAAGTAGGGTCTCTGATCATTACTAAACGCCATTTAGCAAGAACAGAA
TATTTCACTCTCAAGCACAACTCCCCTACTTTCTGCCGAGAGAAGATGGAATTTGTCTGTGTATGCAACCACCT
CTCTGGACCTTCCGCTGCTTCCCTTTGGTGTCAATGACGTAAATCACCAACCCCTTCTCTGCATTTACTTCAACTT
TTATTAGCTCTGCACCAAATCCCCAACTATGTAATCTGAACAAAAATCAATTCCTTCTTTTACTTTCTATTTTG
TGTCCATGGTGGATTTTGTCTCTTTTCTTAGCTATCTTGAATGTTTTCTGTAGCTCTTCTTAATATAACGT
CGTTTCATCCCCTCCAATCTTCCTTATCTTTCATCAACTGCTACAACA

>trans_s_3668 NM_001054213|Oryza sativa Japonica Group Os02g0667000 (Os02g0667000)
mRNA, complete cds

ACTCAATATCAAAATCGGTCTTCCGTCGTTGAATCCTCAAAGAAATCGGAACCGAACGACAGAAATGATTATA
CCTCCGATTGAATCAAGCAGGGAATTCGTTCACTTTAATCTGCACCATCAGTGTTATCCTCTTCATTTTGATCA
TTAAGGAAAGAGAAATCGCGATGGTCTTCTCCCATGATTTACGTGAATTTATTCTTCGAGCAAGAGTGTTGAA
ACTGTATAGACAGGGTTTAAAGAACAGCTCGGAAAGCACCTGTTGATGGTCGAGGTAAAGCTTTGTTAATGG
GATTTTATGATGACTTTGTGTTGTGGTTGTGGAAATTCATGAATTGGATTTGATGATACTGGAACAGATGAAT
TGAGGCATATGATGAGAGAAGAAATGGAGAAGAACAGAAAGTGTAATGATAGACAGAAAATAAGATTTTGTG
TTGAGCGAAGGAATAGAGAGATTGAAGCAATTAGATGAGATGCTGGATATGCAAGGCCATTAAGTAGAGATC

TTTCTTTTCTTTCTTTTTTTATTAATTTTGATTATTGGGAGTTAAGTTTTCTCCAATCATTTTGGAGTGTCTCATA
GAAAGGAATGTTGTTTTAGGGGAAGGATATGAGTTTGGTTAAGGGCTTATCTTCAAGTTATTGTAATCAAATT
GTGATTAAGGTACAAAGGAGTTATTAATTCATTTCCACATTATTTGTATCAGTTTGATTTTTATGTTAGGTTT
TGAAATAAGAACTGAAATCATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3669 NM_106743|Arabidopsis thaliana phospholipid/glycerol acyltransferase family
protein (AT1G80950) mRNA, complete cds

CGCATTTCCGGCGGGGAGCAAAGCAAAGAAAAGCTTTATCGATTGATTTTGGCGTTCGTGGAGGAGGGAGG
GAAATGGCGTCTGAGCTCCAGCAATTGAGGTTCAACCCACCCCAATCCAACGCATCCGACGAATCCTCTGCCA
AAGACGATCACCCACTCTTGAACCTCCGACTCTCCCGCCGTCGCCGACCAGGATTCCGACGATCTCCACCAAAAT
TATGCTCCCTTTGTCCGACGAGACGTTTACGGCACCATGGGCCGAGGAGAGCTTCCGTGGATGGAGAACTG
CTACTCGCAATGGCCCTCCTTACAATCGTTCCTATACGGGTGGTTATTGGGATGACTTTGCTGGTTCTCTATTAC
ACTATTTGCAGAGTTTGTACGTTATTTTACGATCCGAATAGGGAGACAGATGAGCAGGAGGATTACGCGCATA
TGTTTGGATGGAGGAGGTCTGTGATTGTTTGGACCGGAAGATTTCTGTCTAGAGCCGTGTTATTCGTGTTAGG
GTTTTATTGGATTTGGAAGTTTATCGAATCCCGCCTAATGGGGACAAGTCAACTGACGAGAATGAGGGGCA
AGAGAAAGTCTCAAGAGTCTGAAAGACCTGGGGCTATTATCAGCAACCATGTATCATATTTGGATATTTGTATC
ATATGTCTTCTTCTTCCCAAGCTTTGTTGCTAAGAGATCAGTGGCTAAACTTCCTCTTGTGTTATTATCAGCA
AGTGCCTTGTTGTGTCTATGTTCAAAGGGAGTCAAAGACATCTGAATCTAANGGTG

>trans_s_3670 EU853458|Cucumis melo var. cantalupensis ubiquitin carrier-like protein mRNA,
complete cds

ACCACACCTTCTCTTCTCCTCCTCCAAAATTTGAAACCCTTCTTTCTCGATCTATCTCCCAAGATTTACGTTTGT
ACTCGAGGAATTAATGGCTTCAAAGCGTATTCTTAAAGAGCTCAAGGATTACAGAAGGATCCTCCTACGTCTT
GCAGTGCTGGTCTGTGGCTGAAGACATGTTTCATTGGCAAGCAACTATCATGGGCCCTGCTGATTCTCCATAT
TCAGGAGGTGTATTCTTAGTTTCTATTCAATTCCTCCAGACTATCCTTTCAAGCCCCCAAAGGTTGCTTTTAGG
ACAAAGGTGTTCCACCCAAACATTAACAGCAACGGAAGCATATGTCTGGACATCCTTAAGGAACAGTGGAGC
CCTGCGCTAACTGTTTCTAAGGTGCTGTTGTCCATATGCTCTCTGTTAACTGATCCCAACCCTGACGATCCTCTC
GTTCTGAAATTGCTCACATGTACAAGACTGATAGAACCAAGTATGAAGCAACAGCACGTAGCTGGACTCAAA
AGTATGCTATGGGATAGTGGACTACAGCCTCACCAACTCAGCCTGCGAAGATAGAAGTTCCCTTTGAAAGTT
GTTTTCCATGAAGTGAAGAAATGAAGGCCTCTGTATTGTAAGACTTAATTTTTTTTGCAAGGAACCTGACTT
TTATTGTGAATATTGATTTGAAGAAATTATATAATGGAAGATCTGTAACCTATATTACTCCTTATTGTCAAATGA
TTGTTTTCCATATTTGTTATGAGTTTAAAAAGTTGTTTGATTGCCCCC

>trans_s_3671 EU563266|Ananas comosus aquaporin mRNA, complete cds

TGCTACGATGTAAATAGATTCTCAAACCTATTCATTATAAGAATGTAAATAAAGATACATCCCTAATAAAATAA
TCATAATAATCATACCAGGATAGACAAAATGGAAGCTGATGGTTTGAGCTAAAGCTTGGAAGTTGGAATTTGA
GGTCTCTAGACCATGAAGGAGGGATGACTCTGTAATCTTGAGTTGGCTCTTCAGTCTTTACTTTTTCTTTTCC
ATTTCTTTTCTTCTTCATCGTCATCCAAGATATCTTTCGAGAATGCATTTGGGTTTGAGTGTGTTTGGTTTCA
TGGCCACCATTTCCATCACCGGAACCGGCATTAATCCGGCCAGGAGTCTCGGAGCTGCAATCACCTACAACAG
GCAACACGCTTGGGATGACCATTGGATCTTCTGGGTGGGACCTTTCATCGGAGCTGCTTTGGCTGCTATTTACC
ACCAAATCATCATCAGAGCCATTCCATTCAAGGCCAGAGCTTGAAGATCAGAAGAACAGTTTCAAAATTCTTA
ATATCATTATTATCATTTCTTAAGAGGTTATCTTTGGAATATATCATCTTCTTTTTTTTCAATTTCTTCTTAATATGT
GTGTTCTTCTTTATCTCTTTTTTGGTATCTGTAACTTCGTTTATTTTGGTGTCTTGAGAGAACTGAGATGGG

TTTGTGTGTAATTAAGTTATCTGTCTTAATTATTAGTGGATGTTGTAATTTCAAGTTATGTAATGGATTATAT
ATTAATTCTTTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3672 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds,
haplotype: S4

TGCAAAAATCTGAAGAGTGTTGAGGAAATAAAGTGGTTTTTCTTATCCTTCAAGAAAAGGAAGTGTTTTGAT
TAAGTAAAGAATTTATGTATGTTGATAGAGGAAAAGTAAGAAGGAATTGGATTCTTCGTTTGGTGGATTTTGC
TGGATGCAATTTTCAGCTCAAAAAGGTGAGATTCTTGATTTAGGAAGAATAGAATGCTGTGTGGAAATATTAT
CAATGTTTACTTAGCTGGGCTTTTCTTCTTTTCGGGGATATGGCCATTGTCTGAAGTCTGTCCCCCACATTGC
ACTTTCGGTATCCACTCCCCTCTTTTGTCTTAACATGACCCACTTCTCCGCAAATATCTTTCACTTTTACTTTTA
TTATTGTTATTATATCAAGTCGGACACTATCATAAATTCTTAATTTTAAAGATAAGATTATGTAATATTATTTTGT
TCTTGATTTGCAAAGATTCTAATGTTTCTTTTATTTATATGGTTGACGTGTTTGTCTGATAGTTTGC GTTGGAA
AATGTGGATTGTCACGAAAGGCACATGAATCTAGGCCATTATATATTGGTTCGGCCCACTTATGTTGAACAA
AAATGACATCACGTGTCAATTTAAGAGATTTTAGTAACATTGTTTTCTATTCTACCTGACATAAATTCCTTTAA
ATTTGATTATTTTCATTCATGTTAGGACTTTTCCACCCATTTGTACAGACACAAAAAAAATAGAAAAAGGAA
AAGAAGTTTCACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3673 XM_002303755|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca2
(Lhca2-2), mRNA

CCATCACCGCCACCATAGCCAATCGTCCGTTCTTAATCTCTTTCGTTCTCAATTCCTTAATCTTTCCGGTGATCC
GCTGCCCCATCCGAGTGGGTCAAACCAGACCCCACCAGGGTACCCGACGTCGGTTCGGTCAGTTTGTGTTA
GGGAAAATCGGGTCGGTGTTGACGCAGCCGGGTTTGAAGGATGTCGGCCCAACGCTACCTCGGCCCAACCG
ATGAAAATGAGTTCCACTATGAATAGAGTGGTGGTGTCTGGTGAATATTCCAATTCACCGGCGGAGTACCAC
GAAGGAGTGTTCAATATACCGATCTTTGTCAAGAATTCCGGGATGAAAATTCCTGCTGCCCCAACATTGCCCA
TCGGCAGTGTTACGAGCTCCGCCTGTTGGTTCCATCTCAAATTTCCGGATCAGACGCAAGACCAAGAGGGTCA
AAGCCAAAGTCACCGGAAGGCTGCCATCGAGCCACGGAGGAGGGGTGCTGCCAGGGAACCAAGAGGTCT
ATCGGAATCGGCTGCGGCGCATACCGGAGCGGATCGAGGAGCAACGACAGCAGCAGCATTTAAGTTTCTCAG
CCTAAGCTTCTTGCCAGCAAGGAAGTTAGAAGCCAGCTTGGGGCAGCCATTCTTCGATGAACTTGACGAAGAA
ATTGCCACGGCGGCAATGGCGGAAGAAGCACAAGCGGAAGCCATTAATGGTTTTCTTAAAAGAAAAAATTG
GGGAGTGACGGAGATGGTTGGTTTGGTTGTGTGGAGGATTGTTGAGTTGAAATTTGTGAGT

>trans_s_3674 AM263438|Chenopodium rubrum mRNA for 40S ribosomal protein S11 (rpS11 gene)

TAGGGTTTTTACTTCGTATCAGACTCCGCGGCTTAGGCTTCTATCGGATCTTCGAAACCCTAACAATGGCGGAA
CAGACGGAGAAGGCTTTCCTGAAGCAGCCCAAGGTGTTCTTAGCTCGAAGAAATCGGGCAAAGGAAAGAG
GCCAGGAAAAGGAGGAAATCGGTTCTGGAAGAGCATTGGTTTGGGGTTCAAACTCCTAGAGATGCAATTGA
AGGAACCTACATTGATAAGAAGTGTCCATTCACTGGCACTGTTTCTATTAGGGGGCGTATTCTTGCTGGTACCT
GCCACAGTGCTAAGATGGTCAGAACTATCATTGTTAGACGTAATTATCTTCACTATGTGAAGAAATATCAAAG
GTACGAAAAGAGACACTCTAACATCCCAGCACACATAGCTCCTTGCTTTAGAGTTAAAGAGGGAGACCATGTC
ATCATTGGCCAGTGCAGGCCCTTGTCAAAGACCGTGAGGTTTAATGTATTGAAAGTGATTCTGCTGGATCAT
CCACAGGTGGAAAGAAGGCTTTCGCAGGGATTTAAGTCCAGAATTTTCAGGTCCCATATTTGTTTATGTTAAG
GGGATGATATGTTAGCATGAGCTTTTCTCAGCTAGATGTTCTTTCACTTATTTATTAAGTATTTTCAATTATC
GTGATACTATTGCAATTTTGATTCCCTTGAGTTTTGCTTTATCCATCAGTATCAGTACCTTCTCTGTTCTTGTTT
CTCCAATAGTATTTTCTTCTTACGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3675 AC174607|Solanum lycopersicum, complete sequence

AATAGATAGACCTTAAAACCCTAGAGATGTCCTTCTCCATCTCCACACGCCACCACATCCGTCGACTATCTACG
GCAGCCACCGCCGCCGCCACCAATGCCACGGAGACGACGTCTCTTCACTATCCATTTCAAAAGCGAAGTCTA
AACTTAGAAACGAGTATGATCCAGATAAAGCCTTAGAAATTTACTCCTCTGTTTCTAGTCACTACACCTCCCCTG
TCACTTCTCGTTACGCTCAAGAAATAACCATCCACCGTCTCGCTAAGTCCCGTCGATTCAAGGACATCGAATCC
CTAATCGAGTCCCATAAAAAACGACCCGAAGATCACTCAGGAACCTTTTCTGTCCACCCTGATTGATCCTACGG
TCGAGTTGGTATGTTTCGAGCACGCCATGAGGACTTATAATCAGATGGGTGATTTAGGTACTCCTCGATCCGCA
CTTTCACCTAATGCCCTGTTATCTGCTTGTAAACCATTGAAGCAATTGACAAGGTTCTCAACTGTTTGACGAA
ATGCCCAAGAGATATAATTTCTCTCCAATAAGATCTCGTACGGTATCCTGGTTAAATCCTATTGCGACGCGGG
TTCTCCTGAGAAAGCCTTACAGATTTTACGAGAAATGGAGGAAAATGACGTGGAGGTAAGTCTGTGACATTC
ACAAACATTATAAATGCTCTGTACAAGAAGGGTGAGAGCGCAGAGGCAGAGAAAATATGGGACAAGATGAT
ATCAAAAGGGTGTGAAACTGATGTTGGAGGCTATAATGTTAGATTGATGCACGA

>trans_s_3676 X68054|A.thaliana mRNA for calmodulin like protein

TCCTCAAAACAAATTTCCAATTCCAAACCCCAAATCACATTCAAATTTTCATTTCCCCCAATATGAAGCTTCTCA
AATCCTTCAACCCCAACCGTCTCTTCTCTTCCAAGTCCCACCGCTCCAAACTCTCCCGATCTCAACCTCCTTCTTT
CGGCTCCGCTCCTCCTCCACCTCCTCCGCCGGAACCCCCACCAGCGTCTTGCCGTCCCTCGACTGGGCCGATT
TCTCCGACCCCACTCTCTCTCGTAAAGAACTGAAGGCTCTACTCGGCCTAATCGGAGCCGAACCGCCGAGTGA
GGAAGAGATTAAGATCATGATGGGCGAAATGGACCGGGTTGGACCGGCTTGCCACTCCGAGTTACGTGATAC
GTTTGAGATATTCGACGCCGACCACGACGGGAGAAATTACGGCGGAGGAGCTCTTTAGTGTGTTACGGCGAT
GGGAGACGAGGGGTGCACGTTAGAGGATTGCCGGCGTATGATAGCAGGTGTAGACAAAAATGGAGATGGG
TTCGTCTGCTTCGACGACTTTGCGCGTATGATGGACTGCCAGAGATAATCCAATCAACACCTTTTCATTTTTTTTT
TCTTTTAACTCTTTTACTTATTAATTATAATAATAAATTTTGAAAAAGAAAAGGGAAAAAAGAAAAAAGAA
AGAAGAAGAAGGGATCTTTGTGTTTATGTTTGTTGATGCAAAGTATATAATTAATTAACGAGGAGTAAGTC
GTGGGATCGGTCAATCGCCAAATTCATCCCTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3677 NM_118818|Arabidopsis thaliana SUMO1 (SMALL UBIQUITIN-LIKE MODIFIER 1);
protein binding / protein tag (SUMO1) mRNA, complete cds

ATAACCGAGGCCAAAACATCACTTCCAGATTTTCCCAACCCTTCTTCTTTACATACAAAGATCAAACAAACCCCA
CCAAAAATTTTCCCTTCTTCCAACCTCAAATAATGTCGGGTGTCACCAACCAAGAAGAGGACAAGAAACCTACC
GATCAATCAGCTCATATCAACCTCAAAGTCAAGGGCCAGGATGGGAATGAAGTTTTCTCCGGATCAAAAGGA
GTACCCAACTGAAGAAGCTAATGAATGCTTACTGTGACAGGCAGTCGGTTGATTTGAACTCCATTGCATTCTTG
TTTGACGGCCCGGACTGCGTGCAGAGCAGACTCCGGAAGAGCTGGAAATGGAGGATGGAGATGAGATTGA
TGCAATGCTTCATCAGACTGGAGGTGGAGGTGCTATTATCTAAGTTAATCTCGGAGACAAAATAGTTCCTCAA
ACATCATTTGCAATCCTATAATTTTCTTGCTACTGCTAGTATATGCCTGAACTTCTGCTGCTGGATGTTGCTTCT
GTCTATATAAATTATGACTACGATTTCTGCTTCTTCCAGTTCTCTAGAAGTGAAAGAGACAATGTCGGGACTCC
TTTATATACGTAAATGCTGTTGATGTCGATTGCTCCTATTTTCATTTTTCTGACTACATCCTGAAGTTACAATGTG
ATTATGTTTGGCTTGTGTATCTTTGTTCTGGGACATGAACTTTCAAAAGGTAAATAACAGTTCTTGTGAAG
GAGCTTCAAAGATTTTGTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3678 GQ205414|Solanum lycopersicum calcium-dependent protein kinase mRNA,
complete cds

ATCCCCATTTGCTTTATCGACGGCTACATACGTATACCCAAATTGACCGTGTCCAAGCAATTTACCGATCGTGT
ACCGTTCATCAAAATTCTTATGATACCCAAAATCGGTGCGTTTCCACAAGGAATCACCCACTTTGCCGCCGCG
AAACATTTTTCTCCTTAATCTTAAGCTGCTGACTATTCCTCTTCGGATTATCATTGGGTCTCTTCTGATTTTGACT
TGTATCGGTTGTGCTGGGTTGAGGGTTGGCGGTGCTACCTCTCCGATGGTGGTTGACGGCGGTGTTATTGGT
GTTGCTATTGGAACCACTGACTTTGGAGGCCGAAAAACAAACACCCATTATTTGCTTTGTAAGGAAATCAAAG
GGTTTCAGGGAAAGAAACCATTGGAGTTGAATAAATACTTCTAATCAGTGACAGAGATATTAGATGAAGAAT
GAAGTATGGATATTGGGGAGGAAAGTTTTGGGCAGACAGCAGGAAGGAGAGAAGAAAGAGAGGGGGATGAA
GGTGATGGTCAATGAGATTAATTTCTCTCTTTCTTCTTTGAATTTTGAAGAAAGGTAAAACTTAAAGAACA
GGAAAAGGAAGAACCATCAAAATTCATCACCATCATCATCATTCTCAAAGCTTTTTCCAATTCTCTAAATTAAG
ATCCCTTTACTTTTTTTTTTTTTTCACAACTCAGCTGGAATCTGATTTTCCACCTTCTCCCTCCCCTTCTTCCATTG
TGTTAGAAAGAATGGGAGCAAATTTGGACCCTAGCAATCAATCAATCTTCAT

>trans_s_3679 BT003682|Arabidopsis thaliana At1g79200 mRNA, complete cds

AATGTTACGGCGGTCACCGACTGCCTGAATCGGTCATCGAACTTGAATCACCTAATTTACGACCTTCGTTCA
ATTTTGCTATGGGCGGAAGCGAAAGAAAATCCAAGGAGAAAAGGAAGCATAGAAAATCGGCTTCATCTTCTG
AAGACGAGAAGAGAAGCAAGAGACCAAGAGCTGCAGAAGATGAGGAAAGGGAAAGCAGAAGGAGTGATA
AGAGAGAGAAGCGCAAGGAGAAGAAATCTCACAAGCACTCTAAAGCCATTAGAGAAGAAGTGAAGGAT
CTTCACAAAGGCAAGCATCACAAGGGTGATCACCTTTCAAGAACCAAAATTCAAGAACTGTCCAAGGAAGATT
ATTTCTCAAAGAATAATGAGTTTGCTACCTGGTTGAAAGATGTGAAGAATGTGTATTTTCTGATCTTCTTCA
GAATCTGCTCGCGAACTTTTCTCAGATTTTGTGAACTGTGGAATGACAGAAAGCTTGAATCTCGATATTACGA
GGGTATTTCAAGTGGGCTCGGACATCCCATAACTGGAAAATCAAAGGGTGATAACTTAGCAAGCATGGTTT
GAAGGAACAAAGAAATGAATGAACAAGATTGTCTGAATTATTGCATTTTGGTTTTCTGCTATACTAGTAGTTT
CTAAACAGCAGATTGTATCTCTTGCCAACACCGGATGCATATGAGAATTCCATCTTCTCCATAGAATTATAGT
CTTACCCTTGCTTCTGATATGGAATGTTAAACTCTTCTTATTTGCTGTAGTGGAACGCT

>trans_s_3680 XM_002881967|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata expressed protein, mRNA

AGTCCTACTCTCATCATTGCTATGGAAAAAAACCCCTCTTTTTCTCTCTCTTTCTCAATTTCCCTTCTATTT
ATACTCTCAATCCCCATTCTCCCCATTGCTAACAATTTCTCCACCTTCATACCTCCTCAATCATGTGCCATTCTT
CCCGATTCATCCTCACTCCTTCTATTTAGCCTGCCGCCACCATCGACGGCGGCGCCCGTTTCGAGTTTACAGC
CTCTTGAGAAGGATGAGATTGCAACGGAAGAAGCGAATTCGGCCGGCGTTAAGGTAGAAATGGAGATCAA
GAATTTGAACTGTATATGGAGAATCAAAGCATTATTGAAGAGAACGAGAGATTGAGAAAGAAAGCGTTTCT
TCTTCACAAAGAGAATCAGGTTTTGTATCTCAGCTTCAGAATTTCTCCGACTATAAACCACCGCAGTCTAGCTC
CGATTTGAGTGCCTGCAGTTGGGAAAGTAAACAAAATCATCTGTAGCGAATGAATCAAGTAGATGATTCTTCA
ATCTTTGATAAAATTTCTTGCTAGTGATTTCTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTCTACGATTCCTTGTTTGAATC
TGTTATTTTGACAATAAATTAGGTTTTTGATTTTGAGGGGAAGGGAATAAAGGGTAGAATTTGGTTATTAGGG
GATAGATTTTGAGAATATAGTTTATGTGATGAAATATTATGGAGCAAAACTCTGTTAGTAGTTTGTACCGTTAA
ATTGATGTTATCTAAATTCTCCATTGATGAAACAAATTTTCATCC

>trans_s_3681 XM_002317876|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T3.1), mRNA

ACATGTTAACTACAATTGAACCACACTCATTTTAACAAATCCTTTCAATTCTTGTTATGCTCTTCTTATTTGAGCT
CAAACACTAAAAGCAACAACAAGAACACTTATTCTCCAACTTTAAACTGTACAGAAGTTTACAATGAGCTTAC
AATCATGGAAAAGTGAATTGGCTTGTAATTGTGCATCATACAGGGGGACTAACTTTTAAACCAATCGATCTTACA
GAACTATGCACCTATCTGAAGTGCTCTCTATGGATAATTTAAAGTCAAGAAGAGTTCAATTTCCAGAAGATTTT
CAACTAATTGATGAAGGAGAACTAAGAATTTCTGGCCAAGCTCCTTTACCTTATTTATAAGAAGCGTTTGTTT

AGTTTCAAGTTGTAATATATATTCTCTTGCAGTTCCTCCAGGCTTTCTAGTTCATTCAACGATGCCGAAAGACC
GTCAAGATTAGCCTCCTCGATTAAAGCGTGAAACTTGCTGATTGTCTGCTTCATCTGACTTGAAACTTGATGTG
CCTTGGTGACAGATGATTGAGAATCCGAGGCGGGTCTAAACTAAGTCTTCTCTTTCTCTACATCTGGAAC
TTTCTTGTGATTTGGATGTGGATCTCTCCTCGTTTAACCCCTGAAGAGGTATCCATTTGTCAGCCATTTGGTT
GGAGGCAATCTTTGATACTCGACAACACAGTCGCCTATGCTTGATGTGGGTAGTAAAGCATTGTGGTCTTTCA
CATGCAACAGTAAAGGGCTGCCATCATCAGGGAACCTAAGGTCTG

>trans_s_3682 NM_111680|Arabidopsis thaliana ATAB2; RNA binding (ATAB2) mRNA, complete cds

AATTGAACAAATGCCACCTCTCCCCAAAAAGATTCTCTGGAAGTTCCATTGGAAATGGATTATCTAATGCAA
GAAGGGGCTTAGATCCTTTCTGAAAACCGGGATGACGCGTATAAACGGTCTCGTATCGCTCTTCAGCCACAA
AAGCAGGGAAAGACACTAAAGAAGCGGATTTTCTCTGGTAATGGTACTCCTAACTCTTCAGCAATCGAGGAA
ATGGCGTCTCTCAAAGTAATGCTATTAATAACATTGTTAGGAAAATACTTCGTGTACTGAAGAGAGAGCGAGT
TATCACAGACTACAAGCTCCACACCTTCTTCCCTCTGATATCCAAATAGGTCTGGAGCAGAAATCCAACCTCC
CACTCCGTAATACTCTCCGGATCGGTTTCCGAATCCAAATAGGCCATCTCCAAGGTCGGGTCATCCTCGTCCTC
GTTCAATTCCACCTCTTCCGGCACCGAGACCGAGCTTTCTGATACAGAATTTGATTGAAAACGACGTAGTGGTT
GCTGACTGATACGACCATTGGCTGAGAATCTGTTTGCGGTTTTGATTGATTGAGAAAATGGGGAAGAAATAG
GTTTGATTGTTGGTAAAGTAAGACCCACTAGGGTCTTATTCTAGTGGGGTTGAAGCTTAAGGTCGCCATGGA
AGAGGAGCTCTCTCGGTAAGATAAGCTTCGTGAGCTGAGAGAGAGAGAGAGCCAGTTTTGTTAGTTATTTTTC
CGCCACAAAAATATCCATTTTGAAATTTGTGTTTTCTTCATTTCTCGGGTTCTCT

>trans_s_3683 AL161536|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 36

ATCCAAATCTCTTGTGTGGACTTGGCAAAGAGCTTCAAGAATACTTCATATCCGAATCTCTTGTGCGATCCTC
AACAAACACAGCAGTCACTAATTCAACAATGGCCGCAAAATTCCTCTTTCTTCTTCCCTTACCGTCAAATTTCC
TCTCCAACAAAACCTTCTTCTTCTTCTTCCCTCTCTTCTTCCCTTTCTCCTCGCCAAAACCTTAGGCCAACGC
CTTCTTCTCGTTCAAGCTTCTAGCAAATTTAGGGGGTGGCGATGCAGAAATCAAGAAGGGAGGGAAGAAAA
AATTTATAACTAAAGAAGAGGAACCAGAGCAGTAAACAATTTTTTCCCTTTTCTGTTTTCTTTTTCTGGTATC
AGAATGTTCAACAATTTGAGTGGAATACAAGAAGATAATTATCAAATACCAAGCTCAAATCTGATTGGATT
TGGTGGTGTAGGTATTGGCAAACAGCAGGGGAAAGGGAAGGGGAGAATCCTATGAAGACTCCTCTTCTTAT
ATCATCATCTTCCGTATGTGCACTCCGTTCTGTATCTTAGCCATAGCTTTCGCCAATGGTTGGGTTAAAGTTCT
GTGAGATGAATCTGTACAACTCATTGTGCAATGCAATGCCAAGGGAACAACACCATGAGAGTAACCTGA
GATCTTCCACAGCGCACAAAACCTCTGTTTATGCCTGTTTTGAGTTGTAATGTTATTTTCTCAGAACTAATACAAA
GTATAGTAACTCAGTTCCTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3684 AY094431|Arabidopsis thaliana AT5g61670/k11j9_190 mRNA, complete cds

TGGCGCACAAGGCTTGCTCAGCTCAGTCCTTCGATTTCTCAGAAATCTTTTCAAGCCGAAACACTCATAAGAAT
CGCAACAAAAGTTGAACAATTTGCTTTCTGTTTTTGAATTCATTTCAATGGATCGAGTTTTGGTGGCTTCATA
TCCAATCAATCATCTGATTGACCTCACAGTTTCCGAATCGATTACTGTTGGAGCACTTGTTTCACTTCCAGGTT
GAATTCTGGTAAAGAACGGCAGAAGTTGAGCTCGAGGTGGCGATGGCGATCCATGGCCTCGGATTCTACTGA
CTCTTCTTCTTCTTCTTTGCTCCGTCTGTTGAATCTGATCCTTCGGATAAACTTCAGCCAGTTTTTGTATCA
TAGAGGGACCGGAAACAGTACAAGATTTGCAAAAATGGAAGTCAAGAAATTCAGGAGAACATTGGAAGTC
GTCGAAACAAAATTTCTTGCATATGGAAGAGGTTCTGCGGCTGAGGATACAACAGAGAATAAAAAATGCTG
AACTTGGAATTTCAAAGGAAGAGCGAGAGAATGAATTACCAATTTTCCATCATTTCATTCTTACCCCCG
CTGAGTTCAGAGAACCTGAAGCTGTACTATGTTACATGCTATTCTTATTGCTGGCATAATACTATTTGGAGG

TCTATTAGCACCCACGCTTGAGCTGAAGCTGGGACTGGGAGGTACATCATATGAAGATTTTATTCGTAGTGTG
CATCTCCCAATGCAGCTAAGTCAAGTTGATCCGATTGTGGCATCTTTTTCG

>trans_s_3685 XM_002515518|Ricinus communis palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase,
mRNA

TGGATTCTTGAGAGTGCCCCGCCACCGATATTAGAGAGTCATGAGCTTCTTCCATCAATTTGGAGTATCGGA
GAGAATGTGGGAGGGACAGTGTCTGCAGTCACTCACTGCGGTCACTGGCACAGACGTTGGAACTTTAGCAA
CTTCTGGCGATGTTGACTGCAATCACTTACTTCGGTTCGAGAATGGGGCTGAGATTGTGAGAGGAAGAACAG
AGTGGAGACCCAAATTGGGCAACAATTTTATGATCCTGGATCATATTTAGCTGATCAAGGAATTTAAGCTGC
CAACAGTAGACCTCTCGACGAGTGTTCTGCTGCATCCATGGTTTGACCAAATCTGCTTTAAATCCTCAGA
TATATGTCTATAAATATGGTTTTTCTCATTCTTCTCTACTATAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGTT
TTAATTTCAATTGTAATTATCTTATCTATTATTTTTTCCCTCTTGTCGCCAGAAAGGCTACTATATAATGTGTTA
TCTTGCTCAGCCTGGTCGGTTGCTATGCAATCAATGTGTACCCACCGCTGGCTGATTGTCTCACAGCAGGTTTCG
AAAATATTTTTGTGTATTTTTCTGCATTTCTTTAATTCTGTTTGAACTGGAAAAAAGAGGAAATTTTTC
CATTTTTTCGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3686 DQ233245|Coffea canephora plastid terminal oxidase (PTOX) mRNA, complete cds;
nuclear gene for plastid product

TGAAAGTTTTGGGTGGTGGAGAAGAGCTGATTATCTAAAGTTCACTTTGCTGAGAGCTGGAATGAGATGCA
TCACTTGTTGATCATGGAGGAACTGGGGGGTAATGATTGGTGGTTCGATCGTTTTCTCGCGCAACATATTGCT
GTAGCTTATTACTTCATGACAGTATTTATGTACATGATTAGCCCCAAGAATGGCATATCATCTTCTGAATGTGT
GAAAGCCATGCATTTTCACTTATGATAAGTTCCTAAAGGCCCAAGGAGATGAGTTGAAAAAATTGCCTGCTC
CTGAGGTTGCTGTGAAATATTACACTGAAGGAGACTTGTACTTATTTGATGAATTTCAAACATCGAGGCCTCCC
AAATCACGAAGACCAAAGATAGAAAGCTTGACGACGTGTTTGTTAACATCAGAGACGACGAAGGCGAGCAT
TGCAAGACAATGAAAGCTTGTCATCGCACGGGAATCTCCGGTCACCACATTCTTATTCAGATAGCTTTCGTGA
AGATAACGAGTCACTCTGTGACCCTAACGAAGTAGATTGTGAAGGCATTGTAGACTCTATGAAGAAATCAGTT
ACTTCTCCCCCTTCGATAACACAAAATCTATGATATATGTAAATGTAAAGTTTACTAGATTCATACATAGTAAAT
ATTTACTAGTGAACAAGAAATGCAAGATCCATATATATGTATACGCTATTCTTACAAAAGATGACATTGTGCCT
ATGAAATACAGTGGTTAATGGTTATATTAGTTGTGTAGAGTTCAAATTCTAAT

>trans_s_3687 XM_002892956|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

TTAATCGATAATTTGAGAATGTGTAGGTCACTGATGCCTGGTGATGATGAAAGCATGAGTGATGAAGCAATAT
GGGAGACACTGCCTCACTTTTGGGTTGCCATTTCAATGGTCTTCTTTGTTGCTGCTACAGTATTTACTCTACTGA
AACTTTGTGGGAACGTTGGTGCCCTTGGCTGGTGGGACCTGTTTATAAATTTTGGCATTGCCGAGTGCTTTGC
ATTTCTTGATGTACAAAGTGGTCTAATCCAGCAATTCATAGAAATATTCAAACAAGAGAACGTTGTTTCATCAT
CATCAGTAGTTAGATATCTAGATTGGAACAGTGGTCTAATAGTTTATCCAGAGCAGGATCAGCATCAGGACAG
AATTTGTGGCCTTCAAGACATTGGAGGACATATTATGAAAATCCCATAATTGTTTTTCAAATTTTACTCTGCAT
GTATTTAGAGGGAACGCCTGCCGCTGCTAAAAGTATGCCACTTCCCATCCTTTTCTCGCCTCTTTTATATTGCA
AGGTGCTGCTGTTATTTACGCTGCATCTAGATTGTTAGAGAAAGCAGTACTTCTTAAAGAGGCGGATCTGGC
ACAGCATTGTATTTCAAGTTTTCATTTAGGGCTCATGCCTGTTTGGAGTTTTTTCATCATGGTTCAAGGCTATTG
GGATGGTGGTCAATTGATGAAAGCAGTCGAGAGGAGCAGGCACGATTGTACCACGAGGGTGCATCTGGGTA
CAATACTTTTAGTGATATCCTCCTGAGGTTGTAAAGAAGATGCCCAAGAAA

>trans_s_3688 FM212562|Nicotiana benthamiana partial mRNA for TOM1 protein

ATATACATCGGAGTGAATGACAACAGTGTGGTAGAATTCATCGGAAAAATTTTCATTGCAGTGGTATCGTTCA
TAGCTGCATTAGGCTTCTTGATATATGGTGGAAGATTGTTTTTCATGCTTAGACGTTTTCCAATTGAATCTAAA
GGGAGAAGGAAGAACTTCATGAGGTTGGATCTGTAAGTCCCATATGCTTTACTTGCTTCCTCATTCGATGCTT
TGTGGTTGCTTTATCCGCTTTTGACGCAGATGCATCACTTGATGTTTTAGATCACCTCTTCTGAATTTCATCTAC
TACTTGTTGGTCGAAATTCCTTCCTCAGCATTAGTTCTTTACATATTACGCAAATTGCCTCCTAAGAGAATATCA
GCTCAGTACCACCCCATTCGCTAGTCAATGTGCATTACATTCTGTACACTTCTTCACCTCCTTGGGGTTGGTTTT
TTCAATTATCTGGAGTAGTGGATTCTTACCTAACTGGAAGAAAAAAGTACGTAAATGTGGCATTCTGCTGTGG
CATGTAATGCCAAAGATAGTCCCAGCTGTTTGCTGCTAGCTGAGAGCAATTATGAACTCTTCTTTCGGTGTTG
TCTGATTTGTGAACAACCTATTCTGTTTGGTCTAATTGTGCAAAGATAGATTCTGTAAGATGAAGTATTGTGTG
TTTTGATGAGTATCACAGTGTTGAGGACTCGAAGAACTGCTTGTAATTTATTTTGCTTATCGATGCTATTGTTT
TGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3689 NM_123764|Arabidopsis thaliana TOM22-V (TRANSLOCASE OF OUTER MEMBRANE
22-V); P-P-bond-hydrolysis-driven protein transmembrane transporter (TOM22-V) mRNA, complete
cds

ACATTTCAATTTTTCAGCTCCCTCTTTGAGAAAGAAATCCATTAGATCCCTTCGATTCTTCATTCAATCCTTCA
AATTCCACTTCTCTATCCTTCCATGGCGTCTCGTGGTAATAAGCGGCCTTCTACTAATGGCGACGACAATT
AGGCATCCTGTCTAGGGTTTCTCGTACCGTCTCCGATTCCCAAATCGTCCGGCGAGCAAAGAGCACAGCTTCT
GACGCTGCCTTCGTTTCAAAAACTCCTCCGCAGCACCGGCAAAGCTGCATGGATTGCTGGCACAACCTTTTCT
CATTTTGGTGGTGCCACTCATCATTGAGATGGATCGTGAACAGCAGTTCAATGAGCTCGAGATGCAGCAGGC
GAGTCTACTTGGTACTCCAGCCACCGCTGGTTCTAAATGATTTCTTGATGATGGGTTTCAAGGCTACTC
GATGATGTTGTTGCTGTTTAGGGTTTTATGGATTTTGGATAGAATTTGATTTTGAATGTCAATGGCGTACAAT
GCCGTACCTCTGTTCTTTGTTGTGACTACCGATTAAGTCAAATGCGATATTGCTCTAGTTAGAAATTGAGCC
TTTAGAGAGTTAGAGTTGCGTTGCGAAGTTATATGAACTGATTCGGAGTCAATTGAAATTTTCTTCTCTCAGG
AGGACTCTTGATTGCTGTTGTAACTTTTTTTTGTGTTTCTTTTGTGAGAAATCGTTGGACCCCCAGAAAT
AAGTAGAAAATTAATTTGTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3690 XM_002301066|Populus trichocarpa glycosyl transferase, mRNA

ATCTCCGTCAAGATTAGTCGTCTCCTACATTTTCTTCTGAGGAAAACCTAAACTCCCAATCTCTCTCCGACAACT
GCCTTTCATTCGGACTTTTTTTTCTCTCTATTTTCATCAATTTTAATCACTAATTCATTTGCTCTGTTTCTTTCT
TCTCGATTGAGCTTTGATTTTGCATTAATGTTATAGATTCATGTAGTGTAAGTGAAGTGGTGGTTGATG
GCGTCGATTGCGAGGACTCTGTGCGCGGCGCATCACGATCGGGTTTATCCGAACGGAATACCGTTTTCAACTT
CTTCTCCATCTTCAAAGCTTCTTTCTAATGCTAAATACTCGTCGCCTTTCTCGTCTTTTGCCGTTGGAGCGCGGA
GATTTATCTCTGGAGCTTTCTTTATTAGACCTCCACGGAAGGTAGCAGCAATAGTTGGCGAAGGGCATTCTTT
AGATGCTGTGTGTTTTCTTGGTTGGTTTCTTGCTTGGTATGATGCCGTTTGGTCATGATGCCGATGACATTCG
TAGTCATGATTTTCTTTCGAGATCAAGCCGCCGCATGTGAATGTGCAGTTTGAGAAAGATAGTCATGGTCAG
GTTTGGCGAGAGGATTCGGTAGTTGATTTCGGTTAATTTGTCGGTCAAGTCGTCTCCGAGGTGAATTTGAGTT
TTGTTTCCGTACCGAAGACGCAGTTGACTGTGGTGACACCGACGTATAATCGTGCACCTCAAGCCTATTTCTTG
AATCGTTTGGGTCAGGCTCTGAAGCTTGCGAATCCTCCTTTGTT

>trans_s_3691 BT020419|Arabidopsis thaliana At1g54220 mRNA, complete cds

AATTCCTTTCTAACGTGTTCTTCATCATCTTAGCTCCACATCCATCTCCATTTGTTCTTGAACGATCCCCTTTTGC
GCCACACAATATGGCTTACGCATCGCAAATTATCAACCATTCTAAAAAGTTGAGAAGCACTCCAAAGTTATTTT
GACAAGCTAGCATGGTTCTGCTGGTTTTTCAGAGGATGCACAGTCCTCTATAGACAATGAAATCTGGAAGATCCA
GGGTTCTGGTTACAAGGCTTCGGGAAAAGGGGGAATCAAGAACCTTGCCAATTTTAACAATAGATCGCAATTT
CTAATATGTCAAAGAGGTGTTTCAATGATGGCAACAAGTATTGGGAATCCTTTTTCTGGTTCACAAATTAATCC
AGCAAGAGGTTTCTCCTCTGATTGAGGTCTTCCCCACATCAAGAGGTTGGAATGCCTTCGCTGTCCCCTACAA
TGACTGAGGGCAATATTGCAAGGTGGTTGAAAAAAGAGGGTGATAAAATTTCTCCTGGGGAAAGTGCTCTGTG
AAGTTGAAACAGATAAAGCAACAGTAGAAATGGAATGCATGGAGGAAGGTTATCTTGCCAAGATAATTTGTG
GGGATGGAGCAAAGGAAATTAAAGTTGGTGAGGTAATTGCCATTACCGTTGAAGATGAAGAGGATATAGCA
AAGTTTAAGGATTATAAACCCACTTCGTCAAATACTGGTGCTGCATCTGCACCTGAGTCCCCTGCCCCTAGCCC
ACCAAGAAAGAAGTAGTTGAGGAGCCTGTTCTGTTACCTCAGCCAAGTACTGT

>trans_s_3692 AY785537|Arabidopsis thaliana At2g01200 gene, promoter region

TGGCAGTCCAGCAGATCCAAAAGTCAATTTTCCGGATCAGAACGCTCGAGTTCATATTCACAACAGGTCCAA
GAATCAGGATATGTGTTAACTCTCAGTACGATCAGCATCAACACCAGCAACTTCAGCAACAGCAACCACAGC
AACAACCACAGCAACACCCACCTCAACCACGGCAATTCATACATGCTGGCGCACATTACATCCACCAGCACCCA
TCTGGTGCAGCTCAAATTCCTGCATTTTTCCCTGTATATTCTCCTCAGCACCATCATCATCCCCATCAAATTGAAC
AGCAGTATCCAGTCTACTACCTGCCTGCTAGACAGGGCCAAGCTTATGGCAATTTGCCAGTACAGCAATCTAC
CATCAGCGAGTCTGCCACTGCTATTCCCTCTGGCCGGCCTCAAACCCCTCCCAACCCAACTTTGGTTACAAC TG
CAGCTTATAACCACATGAGGAATCCCCCTATTGCAAAAAGTCAAATGGCTGCTAATGCATTCAAACAGACAAC
TACAACCTCTCAGTCGTTGGTTGAGGTTCCCACTCAGCATCAGCAGCAATACGTTGGCTACAACCAGGGTT
ATTCTCATATTCAGCATCCATCCCAATCAGTTCCACCTACATCCGCTACTGCAAATTATGCCTACGAATTTTCGG
ATCCTGCTCATTCTCAGATATACTATACTCAGCCTCTTCCACCTTCTCAGTACCAAGCCATGCCAGCAGCTGCTG
TAATGCTGCCTGAAAATTCTGCTCAGCTTCCCACTGACAATATCAAGC

>trans_s_3693 AP009369|Arabis hirsuta chloroplast DNA, complete sequence

GAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAACGCATATCACTTTGCAAACGTCACCAGTGACTTACAGTA
GTTGGTTGGCTTCACAAAGTGGGGACACACAAACAAAGGGAGAGAACTTTTTGTACGCCGTATGCCGACCTTT
TTTGAAACATTTCCGGTTGTTTTGGTAGACGGAGACGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCTTTTCGAAGAGCAG
AATCGAAGTATAGTGTGAACAGGTCGGTGTAAGTGTGAGTTCTATGGCGGTGAACTCAATGGAGTCAGTTA
TAGTGATCCTGCTACTGTGAAAAAATATGCTAGACGTGCTCAATTGGGTGAAATTTTGAATTAGATCGTGCTA
CTTTGAAATCCGATGGGGTTTTTCGTAGCAGTCCAAGGGTTGGTTTACTTTTGGGCATGCTTCCTTTGCTTTG
CTCTTCTTCTCGGACACATTTGGCATGGTGCGAGAACCTTGTTGAGAGATGTCTTTGCTGGTATTGACCCAGA
TTTGAGTATCTGTCTACACTTTGGGGCATTCCAAAACTTGAGATCCAACCTACCAAAAGAGTCTAGTCTGATA
CAAGATTGCTCTGTTCCGGTAAGTTCCGACCCGCACGAAAGGCGTAACGATCTGGGCACTGTCTCGGAGAGA
GGCTCGGTGAAAATCTGTGCGGCCCGAAACCCTGCGCCACATCCGATTAGGAGGCAGACAGCAAAGTGTTTT
TATACTTCGAGGCCTATTTGAGAGGATTTTCCCCACGGGGATGTCCGAGGAAGAG

>trans_s_3694 AB027002|Nicotiana paniculata mRNA for plastidic aldolase, complete cds

CTTGCTCGCTACGCTGCAGTCTCACAGGACAATGGATTGGTTCCAATCGTCGAGCCGGAGATCTTGCTTGACG
GTGAGCACGGGATTGACAGAACCTTCGAGGTAGCACAGAAAGTTTGGGCAGAGGTCTTCTTCTACCTTGCA
AGAACAATGTTTTGTTGAAGGAATTCTTTTGAACCAAGCATGGTTACTCCTGGAGCTGAGAGCAAAGACAA
AGCAAGCCCTGAGACAGTTGCTAAGTACACTCTTCTCTTCTCCAAAGAAGAATCCCTCCTGCTGTTCTGGAA
TCATGTTTTTATCAGGTGGGCAATCTGAGATAGAGGCTACATTGAACTTGAATGCCATGAACCAAGCACCAAA

CCCATGGCATGTGTCCTTCTCATATGCTAGAGCTCTCCAAAACACTTGCTTGAAGACATGGGGTGGACGACCA
GAGAATGTGAAGGCCGCACAGGATGCTCTGATTCAACGAGCCAAGTCGAACTCCCTCGCCCAGCTTGGGAAG
TACACTGGTGACCCACAGTCTGACGAAGCAAAGGAGGGAATGTTTGTCAAGGGCTACACATACTAAGCTTTTC
TATAGATCAAGAAGATGAAAAAGAAGAAGAAGCTGATGATGGTTGAAGTTGGAGACTAATTGCTGTGTTTA
TTGTGTTTATGATGATGATGCTTTATAGCAATTTAAAAAGAACAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAACTATTTTGT
GTATTCTTAGCAGCTTAATGAACATTTTGGTGATGATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3695 AF150084|Malus domestica small zinc finger-like protein (TIM8) mRNA, partial cds

AGGGTTTTCTTCCCACTCAATTTAGATTTTCTCGCTTCTTTCTTTGACCCATTGCTTCCCTGCCTCCCTTGGGT
TTCTTCTTCGTTGCCACTCTTTGATCTCTTCACGGAACCTTCATTTGTTAAGAGCTCGTTTAGCCTGCCTTTTGTGCG
CCCATCATACGGAGCTACACTTTTTCTGTTAAATTTTGTAAAGGGTTTTGCAGTCGGTCTCTACTTACAGCTGGT
CAGATTCACGGGCTTTAACGTCTCATCAACCTTTCTAAGTTCCCATGGATTCTCGTCTCTTAACCTCCCGGAGC
TGATGAATTTTATCAATGAAGAGAAGCAAAGAGCTATGGTTGCTGAGATGGTGGCAAAGCTTACCAGTGTCT
GTTGGGACAAGTGCATCACTGGAACACCAGGGAGTAAGTTCAGCTCCAGTGAATCCAAGTGTCTATCCAAGT
TGCCGAGCGCTATATGGACATGAGCATCATCATTATGAAACGATTTCAAAATAGTTAAAAGGATCTCAACGCG
AGGCTTGCTTTTCCAGTTACAAGACAATGTATTTTCTGGGTCTATTGTTCAATTCTAACCGATAGGCAAAAGG
TTATGAATTTCTGGAAATACTGTTCAATTTTTTTGAAGTTGTTGCATTCCCTAAATCAGATTATTTTACATTACATC
TTGATGAGAAGAGTAACGAACCGAAGTAGGGTATTCTGTTTTTTAAGGAGGATAAAGAGAAAAAAGGGGT
ATTCTGTTTCTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3696 DQ294622|Arachis hypogaea RING-box protein (RBX1a) mRNA, complete cds

AAGCCGACGGAGGAGGAAAAAGCTTCTTTCATTGCCAGTTATTTATGGCCACCTTGGATTCCGACGTTCCAAT
GGTTTCTGCCGTCGAGGCTTCGAGCAGTGCCGTCCTTCATCTACCAAGAAACCCAAGCGTTTTGAGATCAAA
AAGTGGAACGCCGTCGCTCTTTGGGCATGGGATATCGTTGTCGATAACTGTGCGATCTGTAGGAACCATATCA
TGGATCTTTGTATTGAGTGTCAAGCAAACCAGGCCAGCGCAACCAGCGAGGAATGTACTGTAGCGTGGGGGG
TGTGTAATCATGCATTTCAATTTCCACTGTATCAGCAGATGGTTGAAGACACGTCAAGTTTGCCATTGGATAAT
AGCGAATGGGAATTTAGAAGTATGGTCACTAGAACTTTCTGCTGTTGAGGATGTCTTTATTCCTTAAAATTA
TCTTGTGGCTATGAGGGCTTTGACGATGGACTCTCCCAATAAAATTTCAGAACTAGCAGTCTCAAGATGCATTT
TGTTGTTGAACTACAGTTATCCAGAGGATTAAATGCCACCAACTTGAATATATTATCTGATTATATTCCAGAGA
TGTTTATAGAAATCAGGGTAGCACTTGAACGTTAGTTTGTGTTTGTGCGCGCGGTGTGTTTTTTTTCTTTTTT
CTTTTTTTAAATTTAAACAATTGGGCTAGTCCTTTGTTTTACTGCTTACAATATCTGTACTTGTATTTACTTCAAG
GTCTCAATTAATCTGGAATTTGGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3697 NM_001073322|Oryza sativa Japonica Group Os12g0488700 (Os12g0488700)
mRNA, complete cds

AGCTCACATTTATCCTTAGTTGTAGAATCAAATTGTGTCGGAATTTCTATTCTAATTGATTAGAGTTTGAATGCA
CGTTGGTTTATGGATTCGGAGGCACATCCATCTTCATTGGATTTGGTGAAATGCTGTAATTGCCCCGTGCAGTTG
TTCTCTATCTACTACTGGGCCGTCACTACTTGGATTGATCTGTAAAACGGAAGCACGATGAGCTGGATTCAA
ATAGCCCATTCGCTATTGTTGGGTGGATAACTTTTCTGTTATACGGGTACAAGCTGAGAATGAATGCAACGC
ATTGCGGGAAATGGTTAGCAATCAAACACAAGCAATTCAGGACTTGTATGTTGAACTTGAAGAGGAGAGGAA
TGCTTCTTCGTCGGCTGCTAACGAGGCAATGTCAATGATATTGAGGTTGCAAAGGGAGAAGGCAGAGATCCA
GATGGAGGCTCGACAATTCAAACGCTTTGCAGAAGAGAAGATGGCACATGATCAACAGGAGCTTGCAGCATT
TGAAGACCTGTTATATAAAAGAGAGCAAGCTACTCAGTCTCTCACTTGCGAGGTACAAGCATATAAACATAGG
ATGTTGAGCTACGGGCTAACGGAAGCTGAAGCTGATGGTGAGAAGGGTCAGCAAAGTTGTAGCCAGAATATT

GTGGAATATGAGGCCAGTGTGAATCTCCCATGTATGATTACCCTCCTCTAAGGTGTAACCTAAACGAGACTC
AAGGTCCTTTGGACCATGATAATGATATCACCGATATTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3698 AB062755|Glycine max SFerH-3 mRNA for ferritin, complete cds

ATCCTCATCCTTTTCCACCACACGCACACACTCTGAGTCTCTCAAACCCCTCAGAAAATTTCCATTTCTTCCTTTC
CTTTCTCAATCATGCTTCTTCGTGCTCCTTCACCCCTCTCTCTGTGCTAATTCTCTCCCCGAGAATCTCACTCCT
CTCTTTTCTTCTTCTCTTCCATTCTCAAGCTTTCTCCCCCAGAAATGGTGGCGGTTTCGCTGGTTGTTGCGGCCT
CAAAAGGAGCTAATACTCGGCCGTTAACGGGAGTGGTTTTTGAGCCATTTGAGGAGGTTAAGAAGGAGCTTA
GTCTTATCCCTCTGCTCCTCAAGTCTCGCTTGCTCGTCAGAAGTACACCGATGCTTGTGAGGCTGCCATTAAT
GAGCAAATTAATGTTGAATATAATGTGTCATATGTATATCATTCCATGTATGCCTACTTTGACAGAGACAATGT
AGCACTCAAGGGTTTGGCCAGGTTTTCAAGGAATCAAGTGAAGAAGAAAGGGATCACGCTGAGAAACTGAT
GGAATATCAGAACAAACGAGGTGGACGAGTGACATTGGAGTGTTTGATTAAGCCCTTGTGTGAATATGACAA
TGAGGAAAAGGGAGATGCCTTGTATGCAATGGAGCTCGCTTTATCCCTTGAGAAGCTAACAAATGAAAAGTT
ACTCCACTTGACAAGGTGGCTGAAGAGAATCACGACGTGCAGATGACTGAGTTTATTGAAAGCGAATTCTTG
GGAGAACAGGTAGAAGCAATCAAGAAAATCTCAGAGTATGTTGCACAGCT

>trans_s_3699 AB201544|Nicotiana benthamiana NbNACa1 mRNA for alpha chain of nascent
polypeptide associated complex, complete cds

CATCAGACGGCAGAATCCATCTTTCTTAGTTTTCTTCTACTCATCTCTAACGCCATGACTGCTCAAACCAAGGAA
GAGCTTCTCGCCGCTGCTCTTGAAGAGCAAAAGATTAATGCTGATGAACCTGTAATTGAGGATGATGATGATG
ATGAGGATGATGATGAGGATGATGACAAGGATGAGGATGATGCTGAAGGACATGGAGAGGCCAGTGGTAG
GTCCAAGCAAAGCAGAAGTGAGAAAAAGAGTCGTAAAGCAATGTTGAAGCTTGAATGAAGCCTATTCCTGG
TGTGAGCCGTGTCACAGTCAAGAAGAGCAAAAATATTCTTTTTGTCAATTCGAAACCAGATGTCTTCAAGAGTC
CCACCTCAGACACCTACATTGTTTTCGGGGAAGCAAAGATTGAAGATTTGAGCTCCCAGCTACAGACTCAGGC
TGCAGAGCAGTTCAAGGCTCCTAATTTGAGTAATTTGACATCAAAGCCTGAGCCATCAACCGTAGCTCAAGAT
GACGAAGTCGTTGATGAGACCGGGGTTGAACCCAAGGACATTGAACTGGTGATGACTCAAGCTGGGGTATCT
AGACCAAGAGCCGTGAAAGCACTCAAAGCTGCGGATGGCGATATCGTGTCTGCCATTATGGAACCTACTAATT
AATAAGAGCTGAGCTGTCTTTATGTGGAGTGTTGAAATTTCTTTTCTTCTTTCTTCCCATCTGTTTCCACC
TGCAGAATTTGAAAGTTGAGAGATTTTAATGTTATGTAACTTAGTTTTATGGAAA

>trans_s_3700 AY295342|Cucumis sativus poly(A)-binding protein C-terminal interacting protein
243 mRNA, complete cds

GCTTCTCTACTTCAATTCCTTTATCCATTTGTGGACTTTGTTGAAATTGTTTCTCTACGAAAAGGATAAGACT
TCCAAATTTCTCACTGTTTTTCCAACCTGGGTCTCTCGATCTGGTCCGTAGATCAGTTGTATAACCACATTCCA
AAACAATGGCTCTAGCATCTGTTGAAGGAAGTTCAAAGCTAAACCCGAACGCCCCGCTTTTCATCCAGCCGC
ATACCAGGTGGAGGATTTCTCCCCACAATGGTGGCAACTGGTGACAACCTCGACATGGTACCGTGATTACTGG
CTGAGCCAACACCAGGAAGAGAGCGACTTCTACATCGATGGTGAAGGTGAAGATGATTTTCAGCAATGACATT
GCTGAATTCCTTCCAGAAGCGTTCGATCTCGATGCGAATGAAGAACTCCGTACCATGGAAGCTGAATTCGAGG
AGTTCATTCAAGCTTCTCTTAATGAAGGGTATCACCCAGAGAAGTAGGTTGCCTTCTAAAAGCTGACCCAAAA
AAGAACTTCCTTCGTTGATCAGCTTGCATTTTTCAGGTTTTTACCATGTTGATAAGCATAAGAAGCAAAATCTGC
AGGTTTTTCTTTTCTTTTTTTTTTTTTCTTCTTTCTTTCTTTTAAAGTAACTTGTGTACAAAGCAAAAGTTGCT
AGTTTTGCAACTTTTGCAACCCCACTTGTTTCATTATTGTGCATCTTACTTTATAAGTGTCCAAAAAAGTGTA
AAAAAAAAGGAAAATAGTTTTTAATGAGAAAGAGATATTGATTCTC

>trans_s_3701 AF227979|Euphorbia esula 40S ribosomal protein S16 mRNA, partial cds

CTTCCACTCTCAGAACTTCCTCTCCCTCAGAGTTTAGGGTTTGTAGTAGCAGGAGGCGAAACCAGGTGAAAGA
AAATCATGGCTGCTCCGATTGAGTCGGTTCAATGTTTCGGCCGGAAAAAGACGGCAGTGGCAGTCACCTACTG
CAAGCGCGGTAGAGGTTTGATTAAGATCAATGGCTGCCAATCGAACTCGTGGAGCCGGAGATCCTCCGTTTC
AAGGCTTATGAGCCTATCCTCCTTGGACGACACAGGTTCTCTGGTGTGATATGCGTATTAGAGTAAAGG
GTGGAGGTCACACCTCGCAGATTTACGCCATCCGTCAGAGTATCGCCAAGGCCTTGGTCGCGTTCTACCAGAA
GTACGTGGACGAGCAGAGCAAGAAGGAAATCAAAGACATTCTTGTGAGGTACGACAGGACTTTACTCGTCGC
CGATCCCCGACGCTGTGAGCCCAAGAAGTTTGGTGGTCTGGAGCTCGTGCCAGGTTCCAGAAATCTTACCGT
TGAATCGTTTATCCATTTTGGAAAAGACTTTGTGGTGTCTGGATTTTGTCTTTTCTTTTATGCGTTTGAAT
TTACAAGGTTGTTTTTGTGTTAACTGTTCTATCTATTGCTCATAAAATTAGATTTTTTGTCTAATGGTTTTG
ACTTTTTGCTATTATTAATCTCGTTATCGGAATACTGTTAGTTAATTGGAAGCCTCGTTTTAGAATAGCATTAT
GAATTCATGGCATTGCTTTTCTTTCGAAGCTCTGCTATTTCTCATTGTTC

>trans_s_3702 XM_002529743|Ricinus communis Ketoacyl-ACP Synthase III (KAS III), mRNA

GGTTTTGGAGTAATCGCCCCATTTTCTCTTTTTCCCTTCTCCTCTGTCTCTCTTTTCTTTTCTCGGACTTTTCT
AGGATTTTTTGCAGAAATAAGCATTGAAAATCACCATTTTCGATCTTTTCCCTCTTATGGGTTCTGGGTTGAATGC
TGTTTTACCCCATTTTCACTGTTTTTAAGTTGTTGTTACTTTCCCAAGTCTCTCTTTGTTTTTGTGTTGTGGGT
TCTGAGTGTTAGTACAATGGCAAATACATCTGGCTTCTTTGCAACATCAGTCCCGAGTCTAAGGACGAGGAA
TTTTCCATTAGGAGGCAGTTTTTCGATCTGGGTTTAGATCATCTGATGGAATTCCTAAAGTAATATTCTGTTCTAC
TTCTATCGGCGCAGAGAAGGTTTCTTCTGGAGCTTCCCTTCTGAATCTCGGGTGCCAGGATCCTCACCAGAG
GCTGCAAGCTAGTTGGGTGTGGTTCAGCTGTACCAAGTCTTCAGATTCAAATGAAGATCTTGCAAAGTTGGT
TGATACAAATGATGAATGGATATCTTCGCACTGGTATTCGCAATCGAAGGGTGATTGCAGGCAAGGACAGT
AGCCTGACAGCTTTGGCAGCAGGGGCAGCAAGAGGAGCTCTTCAAATGGCTCAAGTTGAACCTGATGATGTA
GACTTGGTATTAATGTGCACTTCGACACCAGAGGATCTTTTTGGCAATGCTCCACAGGTCCAAAAAGCTCTTGG
NTGTAAAAGAAATCCTTTGTCTTATGATATAATAGCTGCATGTA

>trans_s_3703 AM745095|Arabidopsis thaliana mRNA for transglutaminase (png1p gene)

AAGGAGCCTGTTTATACCTCTTTAGCATTGCCTGTTGTGTTAGATGCTCTTGAAGAAGTAATACAAGATATCAA
CAAATGTGATAACTTTGAAAGAGCCTTTTTATGTCTTCTCGTCTGAAGTTAAACAGAATTCATTCTGGTTCAGT
CCTTGCAAGTGGCGAGGAACCTTCTTTTGAATAGCAACATCGGCATTTGATGGGATTGTTTCATCCAAATGG
GAAGAGCCAAATGGTGCGAAAGGTTGTTGGATCATGTACAAGGTATTTGACAACAAGATGGAAGAACTGGTT
GCATATGAGTTGATATCTGCTAATGATGCACCTGAAAGGGATCCAATGGATTGGATTGTGCAAGGGAGTGAA
GATGGGGGAAACAGCTGGCATCTTATTGATGAACAAACAAATCAAATATTTGACAACCGTTTTCAACGTAGAA
GTTTCTTTGTTACCAAAACTGGTCTTATCAAATACTTTCAGGTTTAGATTCTTGGCAGTTCGTGATGGCGAGT
CAACGTCAAGGTTACAAATCGGTAGCATTGATTTGTATGCTCCAAGTTTTAACTCAATAAGCTGAACTAGAGAT
TTCCTCAACATAGTCAAATAAATAAAAGAAAAATAAACTGAAATTGAGAGTAATATGGATCTTTCAAATCTCT
CTATAATATTGGCAGGAACAAGGAAATGACCAATGGTTTCTATGGGAATTCCATGCAAAGGTTAAAGGTATAA
ATTTCAATTCCTTGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3704 CP000592|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 12, complete sequence

TCTTCCATTTTGCTTCTGCTGCTCTGTTCTTTTTGGAAGTGAAGAAGGAGGAAGAACGGCGGTGGAGTTT
CGTTTTCTTTGCTTCTTCTCCTTGAAATCGTCTTCTTAGTTAGTTTCTTCTTGTGTTTGGATTTTGGTTGCA
ATTTCTGAGAAATGAATCTGTTTTCTTTCTTTCGTTGTGAGACGGGTGTTTGATTCTTTTGATGCTCTGAACGAT

TCCTCAACTCGTTTTCTTGAATACCCACATCTTGATTTTTGGTTTTTTGGACTGGGTTCTGTTTTCTCTCGTCAAT
CTCTTCGATTTTCGGCTGCTGGGTATTGAGATTGGTTGGGAAATGCAGGATGTGTTTTGAGGAATTTTGGGGT
TTTTGATTAAGATTTCTCTATTCCCTGCCGTTATGTGGGGCGTGTTTCATGCGATGCGTTTGCTTTGAAGCTGT
GAATGATGATTTTCTCAAGATTCTAGGGTTTATGCGTTCGTTACGGCTCATATCTACTGGGTTTCGGTTCAAT
GCTTCTCGGGATTTTCAAGAATTTGCGCTGTGATATGGTTTCTTTACTCTCTAGCTCTGAAATTACCACACATT
ATCGCCATTGGAACCAATTTAATCAGGTACTTGCTCGTCTATTTAACAAAAATTACCTCGGTTGCTGAAAATTC
AAGTACCATTGCATTCTGGGTCAAGTTTCAATCCGCCATTGTTGTACCTTGCAAAGCTTTACGGTTACTCCTC
ATAATTGTACGGTGAAGAATCTGATTTCTCTGTTTCTGTGA

>trans_s_3705 BT025582|Arabidopsis thaliana At3g23170 mRNA, complete cds

ACATGAGAGAACACACACCAAACCTTGAAGGCAAGAAAATTAAGGGTTGCACCTCAGAAAATTGATGGTTTT
AGAATGATTTTCAGCGTTTGCACACCATAACATCAATATTTCACTCCTCTTCTTCCCCCTTCCCCCAAATTCCT
ACTTTTCCCCTTTCTCTTTTATCTTATGGCCGACTCCACCGACGAACCTCCCCACCACTACCCGCCATCCCC
AGCAACCAAGCCGTCCTCAACGCCGCGCTCCGGCTCCCTCAAATCAATCGCTCCGATTGGAAGGTCGCCAT
CCCTCTCTGTCCCCCTCGTCTCTCCTTCTCTCCAAAGATATCCAGAATTGGACGCCCCGATTCCAGAGAAGC
TTCCTCCGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCCATCATCATCATCATCAACATCATCAACATCAAC
ATCATAAAGAACCAGAGGCGGAGAAGGCGCCGGTATTCAAGAAATGGCAGCATCCGGCGGCTCCATTTTCATT
ACGATTCCGGTCCTAGGGCTCCAGATTCTGACCCGTTTAGATTTTTTTTTTTGAATTAAGAAATAAAATAT
GTTGAATTAGATCTGTAATGATAAGAATTTGTAGTCCGTAGATCTAACGGTCTGTTTTTGAGGAGCTTATTGAC
TGCAACTTATGGTTAACACAGTTGAATATTTTTGTACATTGTGTTTTATTAGTATTTTTATTATTAATTGGTCAC
ATCACTCATTAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3706 NM_120865|Arabidopsis thaliana AtGUS2 (Arabidopsis thaliana glucuronidase 2);
beta-glucuronidase (AtGUS2) mRNA, complete cds

GGGTCACTATGGTCTACTCAACACATCCACACTTGTGCCAAATCCAGATTTTTACAGTGCTCTTCTGTGGCATC
GACTAATGGGGAAAATTGTTCTTCCTATCGGTACTGATGCTTCATCGTATTTACGATCTTACGCTCATTGTTCAA
AAGACAATACCGGTGTGACTGTACTTCTGATCAATTTGAGCAACCAGACACAATTCTCAATCCATGTCCAAAAC
AGCAAAAATGTGTTCTGAATGTCCAGGAAAATGGGGTCAGGAGAGAAAAATCCCTCCTGAAAGGCATGAAG
AAGACTGTAGCATGGATTGGCAACAAGGTCTCTGATGCAACAGTTTCAAGAGAAGAATCCCACTTGACTCCAA
AAGATGGCTACCTACAAAGCCAAACCATGGTTCTAAATGGAACCTCTTTGGAGCTCACAGCTGATGGAGACAT
TCCAAATTTAAATCCTATCCTCCGAGACGTCAACACGCCGATCTATATGGATCCATTGTCCATTGCTTTTGTAGT
ATTTCCCACTTTGACGCACCAGCTTGCTCGTGATTACAAATGTTACTTTGTTTCATGTTTTTGACGCGCAACTGT
AAAGTTTATCGAAGCTGCATAACTTACGAATAAGTGTTTAATATCATCAACAAGTTATTGTTTCCATAATGATTA
ATTGAAAAGATGTATGATAAGGCGTGGTCAACAGGCTGTGAAGAAACAAAAGTGTTACTTTATGGTGACGAT
CATAAATGCTATGTTGTATTTAATTGTCTTTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3707 NM_148655|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, acting on NADH or NADPH
(AT1G75260) mRNA, complete cds

ATTCTCATTCAACTCTTCCCTATTATTCCTCTTCACTTACACTCTAATGGCACGTTCTTACGAAAAGCCTGCCT
ATTCCTCCATCAACGACAATGAGAAGCATCGAGAATTCGACCGCGACATCCGAGAAATGGTTTCCACCCTCAC
CAGTCGCTTGGGATTGCTTCGAAAAGGAGGTTCCGCCGCCCAAACCATGAACTGTTGACGACCAAGGCTCA
AGCGTCATCACACTTGCGGGAACCAACACCGGAGCCACCATGCGAGCAGAACTGAATGGGAAAACGATGAC
GAAGCTTGATCAGGACACAGGTGTGGACGAGAGCGAGTCCCTCACCTCCTACATTAACAGCAACTTCCAAGCC
ATTAACAACCTCCATCATGTTTGGAGGTAGCTACACAGGGAATGACCCTGGAGTTCACATGGAGTATACCTCTG

ATCTCCATGAAGAAGGCCATAAGGCTGAGAAAGGAGGGGCTAAAGGCAAGAAAATTGGGAAGGATAATGCC
GAGTCCGGTGGCTCGTGGTTTTCAAAGGAATGATTTTTTTTTTTTTTTGGGGGGGGGGGGGGGAATTAA
GAAGTAATCATAATATATATTTATATATATATGTCAATGTTTTATTATATGATCCATAAAATGTTATGCCATA
TAAGTACTAAAGAATATTGAGGTGGTTTCTATCGGGAGCTTTTCCAATTCTTGAAGCTTAATAAACGGATTGT
GTATTGCTCTTTTTTAGACCTTACATTAATTCTTTACAATGTTAGCTTGAAATTT

>trans_s_3708 NM_001050437|Oryza sativa Japonica Group Os01g0686000 (Os01g0686000)
mRNA, partial cds

ACAGTACTCCGCCGCGTTTCTTACACTTATTCTCTCTCTCTTTCTCTCTAAACTATATATTCAGATTTAGAA
CTTCATTCTTTCATCAATTGATCCAAAAACCAATTAATTCTCTCTTAAATCTCTCTCTCATCTCTCTTTACTTAA
CAACCCAAATCCTAAAATTTCTCTAAACCATTCAAATGGGGTGTTTTCTGCTTGTTTCTCTTCCAAATCAACAA
ACACAGCAAAGCTTCTAGACATTGATGGAGGTCTCATCGGAAAAGTAAAGCTTCCGGTGAAAGCAGCGGAGC
TCATGCTGGAGAGCCCTGGCCATGTTATCTCTCCGGTGGATGTGCTCCGGCGAACTCGTCGGATTTGCGCCTT
GAAAGCCGATGATGAGCTTGTTGGGTGGGAAGATATATGTGGTGGTGGCTGTGGGAAGAATTGGGTCTAAGG
TTTCAATGGCGGAATTGGAGAATTTTGATTTGACTTGCAAAAATAGAGTGAAGAAGAATGGTTCGAAGGTGC
AGCCGCGCGTGGCAACGGCGCGCATGGTGGCGGCGGAGGAGGATGAGATTGGAGGTGGAGTTTGTGGTTC
TGATCAGTTGAATTGTGTTTCGTGGAAATTATAAGCGGTGGAATCCTAATTTGGAATCCATTATGAGGACTTTT
CATTATCTTTTAGAGAGAAACATTAGAAGAGATTTAGGGGTTTGATTGATTATATATAGAACACAGAGTGTAG
ACTAATTTGTACGATATAATTTATGGTAGATTATACTTCTCGTTCTCAGAAAAA

>trans_s_3709 DQ914793|Cucumis melo ripening-related expansin (EXP1) mRNA, complete cds

TCAGACTCATTTCCCTCTTCTCTCTTCTCTTCTCCTCCATGGCTTCTTCTTTCTCTCCTTCTCTCCCTCGCCTTC
TCCTCCCTCTTTCTTCTCTCTCACGCCAGAATCCCCGGCGTCTACTCCGGCGGCCCTGGCAGGACGCTCACGC
CACCTTCTACGGCGGCAGCGATGCCTCCGGAACCATGGGTGGTGCTTGTTGGGTATGGCAATCTCTACAGCCAG
GGCTATGGCGTCAACACAGCTGCTCTTAGTACTGCTCTTCAACAATGGCCTCAGCTGTGGTGCTTGCTTTGA
GATCAAGTGTGCTAATGACCCTCGATGGTGCCATCCTGGTAGCCCTTCTATCTTCATTACCGCTACCAATTTTTG
TCCCCCTAACTTTGCTCTTCTAATGACAATGGCGGTTGGTGTAACCCCTCTCGCACTCATTTGACCTCGCTAT
GCCTATGTTCTCAAGATCGCTGAGTACCGCGCTGGAATCGTACCTGTCTTACCGCCGGGTTCATGTAGGA
AACAAGGAGGAATCAGGTTACAATCAACGGTTTCCGTTACTTCAATTTGGTGTTAATCACCAACGTCGCGGG
TGCAGGGGATATCGTGAGGGTCAGCGTAAAAGGATCAAACACCGGTTGGATGAGCATGAGTCGTAACCTGGG
GGCAAAATTGGCAATCCAACGCTGTTTTAGTGGGCCAGACCCTTCTTCCGCGTCACCGGCAGTGACCGTCG
TACTTNCATTCATGGAACGTGGCTCCTTCAATTGGCAGTTCGGTC

>trans_s_3710 AF346305|Elaeagnus umbellata S-adenosyl-L-methionine synthetase (SAMS1)
mRNA, complete cds

CGGGGTACCGTTGAGCTTCGCCTTCTAATAGAGCTCTGGTTCGGTTGGCGTATTAGCTCGAATCTTTCTCTCTT
CCAGATCTACGCTGCCGATTCATCAGAGATGGAGACCTTTCTATTTACCTCTGAATCCGTAAATGAGGGTCAC
CCCGACAAGCTCTGTGACCAGATCTCCGATGCGGTGCTTGACGCTGCCCTAGCTCAGGACCCCGACAGCAAGG
TCGCCTGTGAGACCTGCAGCAAGACTAACATGGTCATGGTCTTTGGAGAGATCACCACCAAGGCCAATGTGG
ACTATGAAAAGATTGTTTCGTGACACATGCCGAAACATTGGATTCGTTTCTGACGATGTCGGTCTTGATGCTGAC
AACTGCAAGGTCCTGGTTAACATTGAGCAGCAGAGCCCAGATATTGCTCAGGGTGTTACGGCCACTTCACAA
AGCGCCCTGAGGAGATTGGCGCTGGTGACCAAGGGCACATGTTTGGCTATGCCACTGATGAAACCCCTGAAT
TGATGCCTCTTAGCCATGTCCTCGCCACCAAAATTGGGTGCTCGCTCACTGAAGTTAGAAAGAATGGCACCTG
CCCCTGGTTGAGACCTGATGGCAAGACCCAAGTCACTGTTGAATACTACAACGACAATGGCGCCATGGTACCC

GTCCGTGTCCACACAGTTCTGATCTCCACCCAACACGACGAAACCGTCACCAATGACGAAATCGCCACAGACC
TCAAAGAGCATGTCATCAAGCCAGTCATCCCCGAGAAGATGGAGCTGTCTCTCTCA

>trans_s_3711 AY104910|Zea mays PCO110806 mRNA sequence

CGCAGCGATCTTCGAAGACCATAAACAAAGTTTCTAGGCGCCATCCCATCGCTTCTCATCTCTCCGATTTTGTT
ACCGTTTTCAAACGTGAAAAGCAAATGGCTGCAGGCAGGGTGGCTCATGTCACACTACAAGGACCGAGTGTT
GTCAAGGAGATATTGACAGGAATGGGACTTGCTTTGTTGCTGGTAGTTTTTGGAAAATGCATCAATGGAATG
AGCAGAGGAAAGTGAGAGCTTTCTACGATCTACTGGAGAAGGGTGAGATCAGTGTCGTTGTTGATGAAGAAT
AGATCTTACACTCTTACTCTTATCCTGATATTATGGAACACATTCAAAGCTTGTTGTTTATCATTTTTATTTTTAT
TTTTGAAAAACCTCTTTGATTGCTCTTGGAACAGAGATGACATGTTTACGTTTTGCAACAATTTCTGCAAATAA
GAGATGAGTGAGACAGATTTCACTGGTTTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAATTTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCC
AATCCCCCAAAAGGGAGTCTAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCTTTTTAAACTCCGGGAGGGGAAAAACC
CTGGGTTTCCCCAATTTAACCCTTTGCACAAAATCCCCTTTTCCCCAGTGGGGAAA

>trans_s_3712 NM_125510|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S19 (RPS19C) (AT5G61170)
mRNA, complete cds

ACTTTTCTCTCGATCATCTCCACTTGCTCAACAATGGCGACGGCCAAGACTGTGAAAGACGTTTCTCCTCACGA
ATTTGTGAAGGCCTACGCCGCCATCTCAAAGATCCGGAAGGTTGAACTACCTCCCTGGACTGATATTGTT
AAACTGCAAGATTCAAAGAATTAGCACCTTATGATGCTGATTGGTATTATCTGAGAGCTGCGAGCATGGCTA
GGAAAATATACTTGAGGGGTGGACTTGGTGTGGGGGCTTTTAAGCGGATTTATGGTGGAAGCAAGAGGAAT
GGGAGTCGCCCTCCACATTTCTGTGAAAGCAGTGGTGCTATCGCTCGTCATATTTACAACAGTTGCAGGAAA
TGAACATTGTTGATGTTGATCCTAAGGGTGGTAGGAGAATCACTTCAAGTGGTCGACGGGATCTTGACCAAGT
TGCTGGCCGGATCGTTGTTGCTCCTTGATTGATGAAGAGAGATTTGTGTGTTTGTTGATGAGATACCACCGTG
AAAATTTTGGATATTGAGAAATGAAGATAAGCTTACTCTCATGTTTTCATGGTTTTGGATAGTTTAAAGTTCA
TTTTCATTTCTTGTCATTATTTATGAGTTCTTAGGATGAAATATGTTTGTTTTTCAATGCTACCAGCAGTTGCT
GTGGTTGATGGTTAGAAATGGACCTTTGTAGTAATTTTTGACATATCATATCAATTATCAATAGAGTTTGCT
GTTTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3713 NM_113899|Arabidopsis thaliana NLI interacting factor (NIF) family protein
(AT3G29760) mRNA, complete cds

GTACGTCTCTCTCTACAATTTTATTTCCACACCCTTTCCGTTTCTCATTCTCGTTTTCCCTTCCCTTCTCCATTTC
GCTTCTGAGTTCCCTCCTTTTCCCTCGTTTCGATTCTCTTACGTTGTGACTTGTTTCAGTTCTTCGAATTTGATC
GAGCGAAGCCAAGATTAAGGAACGTCCAGCACCAGTTTGACACGATTGAGAAAGAGAGGAGGAAATAAATT
GAAAGGCAATGTTGAAGTCCCTTGATGATTCACAGAACCCAGATTCTAAGCCAAATGAGAATGACGTTCTGAG
TTGTGCCAAAGGTTTGATTAGAGTGTCATCCCTTAGACATTTTGATCAAATTAATGGTGAAGTAGTGGCGGAC
AGTTTTCAACAGCTTTCCTTTGGTCCTGTCCATGAAGAAGTTAATAGCTTATCGATATTCCAACCTCCTTTCA
CGACCCCTAATTGTCAGATGAGAAAAAGCTTCTCGTTCTTGATATAAATGGTGTGCTTGTCGATATAGTATC
TCCTCCCCCAAGGAACGGAAAGCAGACATTAATATTGCTCGACATGCAGATTTTCATGAAGTTCTGCTTTGAG
AGATTTGAAATTGGCATATGGTCATCAAGAAACAGGAAGAATATATCAAGAATGGTTGATTATTTGTTGGAGA
CATGAAGCACAAATTATTATTTTGTGGGATCTATCACTGTGCTGCTTCAAATTTAAGACTCTCGAAAACA
AGCATAAATGTCTAGGTTTCAGGCAACTAAGGAGACTTTGGGAGAA

>trans_s_3714 DQ160112|Taraxacum officinale TO72-1rc (To72-1rc) mRNA, partial cds

AACCCACAACCTCCTTGTTCTTCTCTCCTTCATCAGCTCAAGTACTCTTTGAATTACCCATTTCTCAAACTGCA
ACTTTCTTCAATTATGACTTCAGCTCAAAAAGGTCCATTTCTGCCTAAATTTGGTGATTGGGATGAAAAGAATC
CTGCTGCTGCTGAAGGGTTTACGGTGATTTTCAACAGGGCAAGGGATAATAAGAAGAATGGTGGAGGAGCT
GGAACCTCTAATAACGTGATACCACCCCAAAACCAAACTCAAAAGCAAGAACCTGCTAAGGAGATCAAGCAG
AAGCAGAAGTATCCAAGAAAGCAGAAAGGATGGTGTTCCTGCTTTTGGTAGACCACTTTTGTGACAATGAAA
GAACACAAAACCTCTTCTTCGTGGTTGGTGGCTTTGATCTTGAGTATTGATGGATGCTGTAGATTCAATTTGT
TGTGTTGTATAAAGATTTTGGGAACTTTTCATGGGGTTTTCTTCTTTTATTACATTAATTAGGCTTCTTGGG
TTGCCTCTCTTGTAATAATAAGAAAATAAACATTGTTTATAGAAAAGAAAAGGTTTGAGTTTACCTAANAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACC
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATAAAACCCCCAACCCCA
AGGGGGGGCCCGACCCCAATTTCCCCAAAAGGGGGGATAATAAACCGCCCC

>trans_s_3715 Novel Gene

CAATCGTCTCGTTATTGTACGTTTTGCTCTTACCACCTTCAATGCGCGAGGCCCACTTTTGTCTGTTACCTTCT
TCACTCCCCAGCTTCGTTGGCCTTCATACTTTATCCTCATTTTAATTCCTTCTTCTCACATTTCCCTATCTTCCATTC
TACCTTTGTTTTCGTGTTCTTCGTTTCCTCTGCTTCTGGGTTTTTAAATCAGCGATTTCATTTTTTTTAGTTGTA
ATCCGTGATGGGTTTTGGTTAATTTGACGAACTGTGAACTTGGGTTATTTGAAATGAAATTAGTATGGAT
TTGAGGATTTTGGAGTTGGGTTTCTTTGTTTTCGGTGGAGTTGGTATTTTGAATCGTTTGCTCAAACCGAGAA
GCTCCATTGATTCTGAGTTGAAATCGTTTTTTTTCTTTGTTGTTAATGGATTTTGAGTTGAAAATATTACTTT
AATCCCTTCTCTCACATTTCTCATCTCTCATTTTACCTCTGTTTCAAGCTTCTTCTTCGTGTTCTTCGTTTCTCT
GCTTTTGCCTGTTTTCTTTTTCTGTTCAATCCCTGTAATTTAGGGGTTTCGTTGGCTTGATTAATTTTACGAAA
TTATGAACTGGGTTGATTTTGAAGATGAAATTAGCGAGCGTGGATTTGAGAATTTGACTTGTGTTTCTTCGTC
GTGAAATGGGTATTTGAGTTGAAATCCTCTTGGGTTAATCCAATTAGTTTACCATTCTATCTCGACTATC
TCTTCTTCTTCGTTATCCTCTCTGTTT

>trans_s_3716 XM_002882318|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tRNA synthetase class I family
protein, mRNA

ATTGATCAGGATCCTTATTTTGAATGACAAGGGATGTAGCTCCTCGCTTAGGATATCATAAACCTGCATTGAT
TGAATCTTCTTCTTCTCCTGCTCTGCAGGGGGAGACAGGGAAGATGTCCGCAAGTGACCCTAATTCTGCCATAT
ATGTGACTGATTCTGCGAAGGACATAAAAAACAAGATCAACAAATATGCATTCTCCGGTGGACAAGATTCTAT
AGAGAAGCATAGATTATATGGCGCAAATCTCGAGGTGGATATACCAATCAAATATTTGAATTTTTCTGGAC
GATGATGCTGAACCTGAACGTATAACAAAGGAGTATGGTGTCTGGACGCATGCTAACAGGTGAGGTGAAGCA
ACGCCTCATTCAAGCACTAACTGAAATGGTAGAAAGACATCGTAGAGCTCGTGCTGTGACAGATGAGAT
GGTTGATGCTTTTATGGCAGTCAGACCACTTCCAAATATGTTGACTGAAGAACTCATTCAATGAACCACTATT
TACCGTTTAAATCAAGAGGCCAGGATTGGATGCGACACGGTCGTGCCTCGTCTCTCATCAGATCATTTATGA
ATCTGAGGGTTTTCTTCTTCTTACAACATTAACCTTCTAGAACCTATATTTATCCAAATTTGTATTATTAGGG
AAAGACATTCCTTTTGGCAGTAAATCTTTGTAGGTGTTCCGAGGAGCAATGGACTTTTTCTTCTTGGTATCG
AGAATTGGGCAGGAGTTTGTGTTGATTTCTGCTAAAGAAAAAGTACACTAT

>trans_s_3717 NM_124977|Arabidopsis thaliana transporter-related (AT5G55950) mRNA,
complete cds

ATCATACACATTCCAACCTCCATTTCAAAAACACCCCATTACCCATCTTCTTAAACCTCACCCAAATCCCATCTCCA
CCCTTCACATGCCTCTTCATACCCCTCATTGAGATTCATTAAGCTGCAGCCGCTATTGGTTATTTTCGTGATGT
TCATCAAATTCCTTATTCAAAAAGGATGTCCGCAAGATTCTCAAGCGTAAAGATAGCGATGCCGGCCAAAGGGG
AAGATCACTGGAGGATTTGCGTGGATCATTATTTAGCAAATTTGCTCACCTGAAGGTGCCAAGCGTCAGCAG
CAACGTTCTTTGGTCTGCTGTTGCTCTTACATTCAATTTCTTTGTTGCAGTCAGTATTATTTTCATGAATAAT
TGGTGCTTAAACTGTCGGCTTTAAATCCCTATATTTCTCAGTTTTATTCATTATTTTCATTAGCTGGATATTGAT
GGCTATTTTCAACTTTTTCTCTATCCTTCCCGCATCTCCTCTATCCAAGACCACCCGTTCTACTCTACTTACAC
TTGGTTTAGTTATGTCCCTATCTACGGGGCTTGCCAACGTGAGCTGAAGTATAATAGTGTGGGCTTTTATCAG
ATGGCAAAGATTGCTGTAACCTCATCAATTGTACTGGCTGAATTTTTATTATATGGAAAAAAGTTTCTTTCTCG
AAGGTCCTAGCACTTTTGGTGGTATCTATAGGTGTTGCTGTAGCTACGGTGACTGATCTGCAGTTTGATCTCTT
TGGTGCTTGTATTGCATTGGCATGGATCATTCCAAGT

>trans_s_3718 XM_002865992|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ARF-GAP domain 5 (AGD5), mRNA

ACGGTCTGCTACGTTGGATACTTGGCTTCAGAGCAGGTTACTTTTATACAGTCAATGGGGAATGAGAAGGCA
AACAGTTATTGGGAGGCAGAGCTGCCACCAAATTATGACAGAGTTGGGATCGAGAATTTTATTCGTGCAAAAT
ATGAAGACAAAAGATGGGTTTCTAAGGATGGCAAACCAAGATCACCAGCTCGAGTGCAGGAGGAAAAACCT
GCTTTTCATGGGCAGAGGGCGGCGGAAAGAAGTGGCTCAGGGTATTAGGCCATTCTGAAAATTTGTTTCGAG
GAAAGGAAGAGAGTTCAAACCTCATTCTGTGAAGGAGAGTATACCTGCCACGAGAGTTAGTCTTCTGTTCCCTC
CCAGAGGACCTGAACAAGTTGCTTCAGCCCCCAAACACGCCAGGAGCAAAAAACCTGAACCAGTTGTACAGC
AGGCTGAAGCAACAAAACAGACTACAAATAATGCACCAGCTGTCTCTCCTCCAAAAGTTGATTATGCTACCGA
TCTTTTAAACATGCTATCCTTTGATGGCCCTCTGATAATGGTTCAGCGGCAGTTTCCACAGATGATAGCACAT
GGGCTGGCTTCCAGTCGGCTGAAGAAGCATCGTCAGCAGAGAAATCTGGACCAGCAAAACAGCTGAAGCCA
CTACCCAATCCACTTCTGCAATTGAGGATCTTTTCAAAGATACAACCTTCAGTTTCATCTTTAGTTCTGAAAAAC
CTGCAAAAGATGTTAAACTGATATAATGAGTCTTTTTGGAAAGTCCAGTATGGTCT

>trans_s_3719 XM_002886249|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GTTTCGATTGTACTATTTGGCATTTGTTTATGAGTAAACTGGATCAGCAACATCCGTTGAAACGAGGGCTTTCT
TCGGTTTTGCTCTTGCTTCACAAGGTTAATTAGTCGTTTCAGCTTTCACCATCTGTATCCGACTGTGGGTGTCGTG
CTTCTTGGTAGTTCTTGTGTTTTGACTCCAATTGAAGCAATCCATTTGTCTTTAAGCTCTGTGCTCGAATGGGT
TTTGCTTTATTTCTTGGGTATTTGTCGCCGATTGGAATCATTGAGGTTTATGGTTGATAATTAGCCTTATTTTC
CTGATATGGTGGGCAGAGAAGGTCTTGGGTGTTCCGAATTCAGATAAGTGGATTTGGACTTTTTTCCAGAAC
TGTTATTGCTTTGTGGGTATTTCATTGTTTGGTTTCCAGCCTGTGGATGGTCTTAGACCATTGAGGGAGAGGG
CTCGATCATGGGGCGATGAGTGGTTGTTTGAAGAAAAGATAAGAGTGATTGAGGTCCATTTTCTGAATGGAA
TATTACAGGAACATATAGAGGCAGTTGGAGTTTTCTAGATTCCACAAATAACTCTTCCAGGTTTCCAGATTTC
GAAATCCAATGGGAATTCAATCATTGAATTAATTAGTACACCTACCAAAATATCTGGTGTACATTATGTTTCAG
GGAGTTGTTATTTTTCATGATGTAATTGGAATGAACATGAAGTTGGTGGAGTTCAAATTAAGGTTGAGGGTG
TGTATATTTGGCCTTTTAGACAGCTTCGGATGGTAGCTAACAGC

>trans_s_3720 NM_001055391|Oryza sativa Japonica Group Os03g0130700 (Os03g0130700)
mRNA, complete cds

AGTGGTGGGAATTCCAAAAGGAACTCTGAAATGGGAGGGCCAGGGCGGTGCCTGCTGGTTACGGGTCTCC
GGGTGTGGGCAAAACCACTCTGATCGTTAAGGTTTTTGAGATGCTTAAAGCCTCTAGCCCTAACTTGAAGATC
AAAGGCTTCTATACAGAGAAATCAGGCAAGGAAGCCAGCGTATTGGTTTTGAAGTTGTTACATTAGATGGCC
GGACAGCTCCCCTTGCTCCACCTCTGTGTCCAGCTCAGAGTCTTTAAGATGGCCAACTGTTGGGAGATATAAA

GTCGATATAGCATCATTTGAGTCATTGGCGTTGCCAGAACTGCACGTTGAAAAAGATACAGATCTTTTCATCAT
AGATGAGGTTGGGAAGAAGGAAGTATTTACTTCATAGTTTTTTCCGGCTGTTTTGAAGTTTTGGAATCAAGT
ACTCCACTTTTGGCTTCGATCCCCATTCCCAAGTTTGGACGGGATATACCTGGAGTTGCAAGGCTGAGAAATCA
TCCAGGGGCAAATATATTGACGCTGAATCCAAGTAATAGGGATGGGGCTAAAGAGCAAATTCATGGTCAGAT
ATTAACATGCTGGAACAGCAGCATAAGCATTAAAGCCTTAATGCTTTGCTTGCTTCTATCTACCTAAGCCACCT
CTTCCCTCTACACACAAGTTGGGAAATCAAAGCCACTGTATGGTGGGTGGCAGCCAATTTATACTTACACCAG
CCGATGAAAACCCGTAATCTTCTTGATTTGATCAACTGCACCTGCTGCCTTG

>trans_s_3721 NM_115506|Arabidopsis thaliana myosin heavy chain-related (AT3G56480) mRNA,
complete cds

ACTTTACAAAAAGCAAGGCATAACCGCCTCCTCCCTTTAGATTCTTTCTATTCTCATTCTTCTCCACCTCTTTGTT
TCTCCCTTTCTTCTCTCTCTTTTTCTTGAAGAACTTCTTGTTGTGATCTGGGTTTGGCTTGGTTCCATGTTTTTC
ATCATATTTTGCCTATAATCTAGAATCAAATTCTGATCGATGACGAAGATTAGTCCCAGTTTGAAGAACTAT
GCACATGGAGGGAATTTGCCAGTTTCAGTTGATGTTAGCTTTGCCTCCAATCAATTTCCAAAATATAAATTAG
GACCTGACAATCAGATTTTAGAAGAGCCCCAGGATGACGACCAGGGCCCTTCTCTTAAAGAGGTTATCGAACA
AGAACTGCCAGTTGTCAGAGCAGCACAAAGCGACTCTCAGTTCTGACCTTGCTTGTAATTCGACAAGAAC
TTGTCTTCTGCCGCTAAGCTGTCTGATGAGGCAAAGCTGAGGGAAGTCCCTTCACTGGAGGGACATGTTCTTT
TGAAGAAGCTTCGTGATGCATTAGAATATCTGAAAGGTCGTTTGGCTGGGCGAAATAAGGAGGATGTGGAGA
AAGCTATCTCCATGGTGAAGCTTTAGCTGTTAAGTTAACTCAAAAAGAAGGAGAACTGATTCAAGAAAAGTT
TGAAGTGAAGAAGCTGGCAACCTTTCTCAAACAGGCTTCTGAAGATGCTAAGAGTTGGTTAACCAGGAAAA
GTCTTTTGCTTGCCTGAAATTGAGAGCGCAAGAGCAGTTGTGCAGCG

>trans_s_3722 AY053419|Arabidopsis thaliana T5E21.14/T5E21.14 mRNA, complete cds

TACGCTTATTGTTTGTACTACTACTACGCTCGATCAGATATGTCTGGGTTTATGCAAACATCATTTTTCTTCGGC
TACATGGCTTGTGTCTGCTATGGCTTCTTCTGATGCTTGGAGCTATTGGTTTTCGAGCAGCTTTGCTTTTTGTG
CGCCACATATATCGGTCTATCAAGTGCGAGTAGTCCTGGGTATTCATCACTCAATACTGAGAAAGTCGAGTTGT
GTTTTTTTTCAAATTCATAGTTTTCTATGTAGAAAAGTTACCTGCAGCAGTCCTTTATTTGTTCTTTTTTGGTGA
TATGTCTTAAAAAGGGAACAGCAATTTCTTTAGATATTATATGCTCTAAGAGCAGGGCAGCGGTATGGTGGCA
GGATGGATGACCGTGCCAGGCACGAAGTGGGGAACGGAGTTTGTACCATTACATTAGTTGCAACACTTTTGT
TTAATCTGAAGTTTGTCAACACATTATTGTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGACGGCCCCCCC
CTCCCTAAACAAATTTATCCCGACCACCTACAGGGGGGGGGCCGGCCCCCACCTCACCTACATAGAGTGAGAT
TAATCAGCTCGCTGACCGGCCTTTATTACCACCGGACTGGCAGAAACAAGCCTGTACCCACCTAAATCACCT
TGCATGACATCCCCCTTTCTCCGCTGGCTGAATAAATAACAAACACGCCCCGATCGATCTTCCTTACCAATGC
GTACCCAGAATGAATGATGAAAGGCACCCTGCCAGGACCCATTAA

>trans_s_3723 NM_123639|Arabidopsis thaliana BKI1 (BRI1 kinase inhibitor 1); protein
heterodimerization (BKI1) mRNA, complete cds

TCCTTTGCCATTGATTTGTCTCCTGCAGATGATATCTTCTCCATGGCCACTTGCTTCCCCTTCATCTCCTGTCCC
ATCTTCCTTCTTCGCTCGTTCTCCACCAATTCCATGGACAGTTTCACCATCCCAATCAAAGAGATATGGGACA
ATGAAGAGCCTCTCAAGGACAGCTCTAGTTGTAGCACCAGCAGCATCAAGAATCAGGAACTGAACCTACTG
AAACAGGTGGGAGAACCAAATCGAAGCCTTTCTCGTTGTTTGGATTTCCGAGATGGCGAAAAGGATGCGAGA
TTACCGAGCAAGACGATAAAGCAAAGCACAAGAGGAAGTTGGGGTTTGATGTTAGTCAGGTTCTCAAACGAT
ATGCAAGAGTGTTAGGCCATTGTTGTTCTTCAGATGGAGGAAAGAGAACTTGATATTTCGTCGTCAGCTTA
TTCGTTTTCTGGTAATTTGAATCCTCGAAACAAGCAAGAATTCAGAGGAAGAAGAGGAGAAATCTCAGCACCA

>trans_s_3724 NM_111553|Arabidopsis thaliana thioredoxin family protein (AT3G06730) mRNA,
complete cds

>trans_s_3725 NM_001066456|Oryza sativa Japonica Group Os07g0546200 (Os07g0546200)
mRNA, complete cds

>trans_s_3726 AY221169|Cucumis sativus basic leucine zipper transcription factor CAT103 mRNA,
partial cds

[illegible]

CCCCAAAAATTTTAAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCGGGCCCCCTTCCCCCTAATGGGGGGCTTA
TAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTAAACCGCGGGGGGGGAAAACCCGGG

>trans_s_3727 XM_002863409|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L11, mRNA

GACCCGCCGAGCTTCGTTTTCTGCTCTGAACTTCGATACGGCAAAAATGGCTTCAGAGAAGAAGCTATCTAAT
CCTATGCGCGATATCAAGGTCCAAAACTTGTCTCAACATCTCCGTTGGCGAAAAGTGGCGATCGTCTTACCA
GAGCCGCCAAGGTGCTCGAACAACTCAGTGGCCAATCTCCAGTCTTCTCAAAGGCACGGTACACCGTTCGGTC
GTTTGGGATCCGTCGTAACGAAAAGATTGCGTGTTATGTGACCGTCAGGGGCGACAAAGCAATGCAGCTTCTT
GAGAGTGGTTTGAAGGTTAAGGAGTATGAGCTTTGCGTCGTAACCTCAGTGATACTGGCTGCTTTGGTTTTG
GAATTCAGGAGCATATTGATCTCGGAATTAAGTACGATCCTTCTACTGGTATTTATGGCATGGATTCTATGTT
GTTCTGGAAAGACCAGGTTACCGTGTAGGTCGGCGCCGTAGATGCAAATCAACTGTTGGAATTCAGCATAGA
GTCATAAAGAGGATGCCATGAAGTGGTTCCAAGTCAAATATGAAGGAGTCATCCTCAACAAGTCTCAAAATA
TATCCTAGAAAAGTTCTCTACTTTCTTTGATAGCATGTTCAAATTTTGGCAATATGTTTACTTGTTTTAAGATTT
TTGTTTATCAGAACTTCAATATCTTGTTAAGGAGCGTTTTAGCCTTCTTATTTTATAGAGTGCTTCGTTTCAAC
TCTTTTGGCCGCATTGAAAGTTAATACACTTTTTGTTAGCTGAAAAAA

>trans_s_3728 BT011719|Arabidopsis thaliana At1g32630 gene, complete cds

ACCTTCTTCATCTTCTCCCTAACCCAGCTTCAATCAACCGGTACAGATCTTCATTTTTCCAAGGTTTGTAGGCTGT
TGGAAGGATCTTATTAGTTGCTTCTGAAAGTTGAAAGATTGAGAAATGGCGATGAAGCAGTGATTAACCTTT
GTATTGCTTCAAATACACACCTTCTCAATATGGAACATGTGCAAATCAGCACGTTATGGATCAAGACAAAG
GCAATAGGATAGACAATGATATCATGACCCGTCGACTGAAGAATCGAGAAAGGCAACGCAGATATAGAGCTC
GGAAACGTCTAGAAGAAGAAATAAAGAAAGCTTCAATTGCGAAACAACCAATTCAGACAGGAACATATTTTC
AACCAAATGGCATTGCAAACAATCCCTTGACTCGGGTGCATTGTAGCCGAAATTGGAAGAAGGAAGCAAGAA
GTGCTAATATATCTAGAGGGGTAGAAGAAGCCTCTTGAATAGTTCCAATATGGCTGCAAGAACATCAACCAG
TGAGAGTCAACTGCAGTGCGTACCCTCTAACGTTGATCCACAATTAGAAACGCCGTCACACTCGAAGACACCT
GCTGATCAACCCGTCCTCTGAAACAGCAAAAAAGGTGTTTGGTGAAGAAATTGGAAAGCAGATGCGAGAAAA
AAAAAGAATTGAAGTGTTGAGTTGATGTTATTCTTATCGTTTTACTATTGTAGTTGGGGGCTATCGCTTTTGTT
TCACATCTGGAATGAACGTTCAACTGTTGACGAAGACACCCTTTGAAGGACTT

>trans_s_3729 XM_002865443|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glucose-6-phosphate isomerase,
mRNA

AAACTAAAATACTTCTGCTTTTGAATTCCCATCGCCGTAATCCCCAATACAACATTCTCTTCATCTCTCTCAG
GTGATTTCTGATTGAAATGGCTTCTCTAATCTCTGACACCGATGCATGGAAGAATCTGAAGGCTCATGTTGAG
GACATTAACAAGACCCATCTACGTGATTTGATGAGCGATGCTGCCAGATGCAATTCCTTGATGGTTGAGTATG
ATGGGATTTTGTGGATTATTCACGACAAAGGGTCAACTCTGACACCATTGGAAAGCTCTCAAATTGGCAGA
GGCGGCAAATCTCAAGGAAAAAATTAATCGGATGTACAATGGGGAACATATAAACAGCACAGAAAATAGGG
CAGTCCTGCATGTTGCTCTTCGTGCAGCTAGAGATGCAACAATACAAAGTAACGGAAAGAATGTTGTGCCTGA
TGTTTGAACGTTCTTGATAAGATTACAGGATTTCTTGAGAAAGTTGCAATGGTTCTTGGGTTGGAGCCACA
GGAAAACCTTTGAAGGACGTTGTCGCTATTGGCATTGGTGGCAGCTTCTGGGGCCTCTGTTTGTGCACACTG
CACTTCAAACAGATCCAGAGGCTATTAAATCTGCAGAAGGACGTCAATTACGTTTTCTTGCTAATGTGGATCCC
ATTGATGTGGCAAAAAATATCACTGGTTTAAACCCTGAACTACTTTGGTTGTGGTGGTTTCAAAGACTTTTAC
CACTGCTGAACTATGTTAAATGCCCGGACACTAANGGAGTGGATTTCTGC

>trans_s_3730 AY104951|Zea mays PCO082478 mRNA sequence

CTCCACTCTCTCATCAAGTTCGCCATCGCCGATCAGCTTCTTCAATCTTCAAGGCAGCAACTCGCAACAAAGTTT
TCAAAGAGCATTGGAACCATGGGAGGAGGTGAACATGGACATGGGGAAGCTCATGGAGACTTTAGGGCTAA
GGTTTGGAGCATGAGCGGAGGACCTTATTGCCGACCCAAGCATTGGAGACGCAATACCGCCATTGCCATGGC
TGGCATCGTTCTCATCTGCATCCCTATCGCTATGAAATCAGCAGAGCTTGAGCAACGGCCACACCATCCCATT
GACCAATTCCATCGCAGCTCTGGTGCAAGAATTTTGGAAACAAGGAGTACTAATTCTCTCATATGAAGATTGA
ATGCATAGAATATGATGAGCCAGAACTGAGTTCTTGATTTTGCAAGTCAACTTCTGGATCTGGTAATTGCAA
GACTAATTTTTCCAGTTCTTGGTGTTATCTTTTCCAATCTACATCGATCTTGTGATGACAATAATAAGCCGCTGT
TTGTTTTAATCACCCATATTAAAGTGTTCATAACGACCAGAAAGAAGAAATTCTGTCTAGTTTGAATTGTTCA
AATTCAATTACTTTCTTAGTGTTTTAATATATGTTTCTAAACACTTAAGAATTGAAAAAAGATGATTGTTATGGG
TAATAAAATGGCTTTGTTAAGAAATTTATAGGTCTATTGCTGATAGTTTATAAATAATAGAAGCAGACTTATTT
TAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3731 BT014998|Arabidopsis thaliana At5g20165 mRNA, complete cds

AGAAAAGTTGCCATCAGGTCGGAATCGTCAGTCGTCTGAACCGCGGAATTCTCAGCCGGGAGTTGCTCGCCG
CTACTCAAAACCTCGGTTATTGGGAGGTCAAGAAGTTCCTTTCTTCTTCTTTTCAATTTCCGAAGGATTCCGAT
CTGACAATCTCTCGGGACTTGAGTAGGACCCCTGCTTTCTTTCTTAATCTCCATTTCTGCACCTTCGATTGAATT
GAAAGAGGATTGTTAACGTGATTAATACCTGGCACTTTGAACATGTCGGCTCTGTTCAATTTTCAATCCTTTCTG
ACAGTTATTCTTCTGGGAATTTGTACCTGTACCTATGTGAAGATGCATTTTCTGCTATTCTTGAGCAAAGAAAT
GGGTTCCGTGGCTTCTTTTGAAAGCAGCCAGAATAGGTGAACGTTTGAGTCCTTGGGTAGCTGTGGGATGTT
TCTCAATGGGAGTCTCAATAATTTTCTTCTGAGCTATGCCTATATTCCCTTCTGATTTATTTAGCATGTCGTGCGT
TACAGTCTTATTTTAGCAAGAGGGCTTTTGATATTAGAGTTCTGTAGTGACATGGTTGAAAGCTGTTTAAATCC
ATTATTACACGAGCATTCCATTACAAATTGTTTTGTTGCTATGCAGTCTCAGAAATTTAGAAAGGTAGATCAT
TGCTGTGTTACTTTTTTTCAGATTCTTATTAGAAAGCAAACGAGATATTGTTGTTAGTTGGTCACATGATGGACA
AACACAAACCAAATTTGGAAATTGTTTCACTAAAAAAA

>trans_s_3732 NM_126129|Arabidopsis thaliana FAD-dependent oxidoreductase family protein
(AT5G67290) mRNA, complete cds

GATTGATTCGATCCTCCTCTTCTCCGGTAACATCGCCGGTGTCCATGGATACTCCCCGGGAACTAGAAAAGTC
GTAGTTTGTGGTGGTGGAGTGATCGGAGTCTGCACGGCTTACTTCTTAGCCAAGAACGGAGCGGCAGTTACT
CTCGTCGAGAAATCTGCCATCGCATGCGCCGCTCGGGCAAGGCCGGCGGTTTCTCGCCTTTGATTGGTGCG
ATGGTGGACCTATATCCGCCCTCGCTCGCGCCAGCTTTAATCTCCACCGCTCGCTCTCACAGGAGCTCGATGGC
CCTAAATCGTACGGCTATAGAGCCCTAACCACTCTCAGCCTTACGATTTTCGGAATCGCAGAAACCTTCCACTCC
CTCTAACTCCTCCTCAAATCCACCGCAATTCCGTCTGTCCTTCTGGGTGACGGTCCAGTTCAGAATACGA
GAACGATCGGAAACACCGAAACAACAGCACAAGTTCACCCACAGCTTTCACTCGTACCCTTCTATCCAATGCA
ATGGAAAAGTACGGCGTGGAGGTTGTGATCGGGAAATTGGAGAAGCTAACGTTGGAGGGTGGCAGATTTC
ATCGGTGGTGTGGAGGACGGCCGAGTTATTAACGCCGATGCGGTGGTTCTTGCTTTGGGACCATGGTCGGG
GAAGTTCGAAGCGCTATCATCACTATTCAGAGTGTATGGCCTGAAAGCACACAGTATAGTTTTGGAACCTAAG
GAGCCGGAAGCCATAACTCCACATGCTCTGTTTCTAGGTTACTATCCGGCTCA

>trans_s_3733 NM_001036714|Arabidopsis thaliana CAT2 (CATALASE 2); catalase (CAT2) mRNA,
complete cds

ATATCCTTCTTCCCTTTTCTCTTCTTCTGATCGTTTTCTTCTTTCCACGTTCTCCAACCCTTACTCTCTCGCTCCTT
CTTCCCTTCTCCAATGGATCCTTACAGGCACCGACCTTCAAGTGGTTACAACACCCCTTTCTGGACTACGAATT
CTGGTGCACCAGTGTGGAACAACAACCTCCTCGTTGACCGTTGGACCCAGGGGTCCTATTCTCCTTGAGGATTA

CCATCTAGTGGAGAACTTGCTAACTTTGACAGAGAGCGTATTCCGGAGCGTGTTGTCCATGCTAGAGGAGCT
AGTGCCAAAGGGTTTTTTGAGGTGACTCATGATATCTCCAACCTTACTTGCGCCGATTTCTTCGAGCCCCTGG
AGTTCAGACTCCAGTTATTGTACGTTTCTCCACTGTTATCCATGAACGTGGCAGCCCTGAAACACTGAGGGATC
CCCGAGGGTTTGCTGTGAAGTTTTACACCAGGGAGGGCAATTTTGATCTTGTGGGCAACAACCTCCCTGTATTT
TTCATCCGTGATGGTATGAAATTTCCAGACATGGTACATGCTCTCAAACCGAATCCCAAGTCCACATTCAGGA
GAATTGGAGAATCCTTGACTTCTTTCTCACCATCCCGAAAGTTTGAACATGTTACATTCCTATTTGATGATAT
TGGTATCCCAAGATTACAGGCACATGGACGGTTCAGGTGTTAACACCTATACTCTGATTAACAAAGCAGGG
AAAGCACACTATGTGAAATTTCACTGGAGGCCTACCTGTGG

>trans_s_3734 NM_127801|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock family protein (AT2G22360)
mRNA, complete cds

TCGTTCTATTACTTTTTATCTTCTCTCTCTCTTTCTGTTTGTTCTTTATATCGTGGTTGCTAATCCAAATTCG
GAGGGAAACGGGAGACGAGGGAGTGCGGGAGTTGATTCAGACGGAGACAGCGCCCCCGCCTTTGTCCTTTT
CTTCTTCTCTTTTGTCCATTACTTTGGTGTGGCGTGTGGCCTCTCAGATCAAGTGAGTTGTTTCTGTTCTCT
TCCGGTTTTTTGTTTTTTAATAATTTCTAGCACCTCATTCCCATTCTTTCTTTTGGAGATCTTTATCTAGACA
TTCATATTTTTTTTCTGTAGTAGGAAACCTTTTTAGCGTCTTTGCGTACTAGGTATTTGTTCTTTTCTTAAT
CCGCACATGGGTTTCTTAGATCTGGTCTGAAATCACCATTGTTCTTTACAATATGTTTAATTGAGGATTTTGT
GAGGTCTGGGGAGTTCGGATAATGCCAATTATTTGCTCGCCCTATTTATAACAATCTGACACTATCGAAGGAT
GCCTTACTTTTTCTATTCTCTTCGTGTCTCATGATAATACCCTTCTACTGTGTTTAAGATCTGGGAACTGAAT
ATTGTTGAGGCTTTCTTTGAATTTCTTAAATGATTACCAATTCGTTGTGTACCAATGTTCTGCAGTTTTCCCCC
TTCTAATTTCACTCAAATTTAGAGTCAAATCCAGGAAAATTGATTAAGGACGTGATGGGGAAGACTATAGTT
TGACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3735 FM242093|Baillonella toxisperma microsatellite DNA, locus mCIRBtBC06

AATTAATTAAGAGAAAGAAAGTTAGAGAAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGTGGGATGAAAGAAAAGAGA
TAAGGTTTGTTTTTAAATTTGAATTAGTCTTAATAATTCCACTAATTATATCAAATTAATTACCCAACCTTTGGAG
TGAAAAAAGGAGCCATTTTTGGAGTTGTCTTTTTTTGTGGGACTGTCTCTTCTTCTTTATTTATTTCACTC
TAAATCCACTTCTTTTTGGTGTCTTTCTTTTCTCCATTTCAACTCTTCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT
CTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTGCAAAATATAATTCTCAAAAAAAAAAAGAGAAAAAGAAAAAAAAAAGTAAA
ACTCTGTTTACTTTCTCAATTAATTTCCATGTCCATCATTCTAAGGCTTCCACACACCGTTGGATTGGTTTTGATC
AACGGTGGTAAATAGTTCTCTTGTCTTTTTCTTCTACCTCTTTACCTAAACAGCCATGGAAGCCACTGAAG
TTTAATTCAATATCCACTTTTTTAAAAAGATTTCTTCTGAAAAAATACAAAATTAATTGCCCACTTCCCAT
TCCAAAACCCAAAAAGCTTGGACTTTTTAGGTGGAAGAATTTGAAAAATAGGGGGGAAAAAGAAAAAGAA
ATGTTGTGGAATAAATCTAGAGCTGTAAGTGGAACAAGCATTAAATGGCTGATAGTCAAATCTCAAGATTTT
CTTCTTATTCATATACAAAACCACTTGAAAAATTCTT

>trans_s_3736 X14418|Tomato U1 small nuclear RNA gene U1.7

ATACTTACCTGGACGGGGTCAATGGGCGATCAGGAAGATCCATGGCCTAGGTTGGTGACCTCCATTGCACATA
CCGGAGGGGTGCCCGCTAAGGTCTGCCAAAGTGCGAGAGCCTACGTCATAATTTGTGGTAGTGGGGGCCT
GCGTTCGCGCGGCCCTTCCCAATTCGACCAGTTTTTCAACTCTTCTCTTCTAGTTCCATTAATGTGTTGAGG
AAGCTCTTAATTTGGGGCTCTGAGGCTGATTCATAAGTTTAAGGGACTAAATTTGTGGCTCCTTAATGGAGAG
TTTTGGCTGTATCTTCGGGTGTGATATCTGTTACTTTTCTCCCTTTGATAAAGCGTCAAGTTGCTGTCATAGAG
GGCTGTATCTAAATCCTCTTATCGAAATTCGTGAGCATAATATTTTCTTTTAGCTTTGAGGCTACAGAGGGTC
TATATGCATAATCTAGTCGTGTCAAGTTGCTGTCATATTGTCATTATTTCTGATATGATACTCAACTGAGAGGG

ATTCTTCGAACCTATATAGTAGGTGAAGTAGAAAACGTGAAAGATTTGATATATCAAGTAGCTGTGCAAGCT
TTTATATTCTTCTGGATGAGGTTGTGTGGGCTTTGATCATATAATAGGGATCCATATTTTCCAAAGTGCAAAAA
CTTAAATAAGTTTGATAGTCTAATTTTTAAATTTGGGATTTAATTTTTAGTTTAGAAAGTTTAAAGATATTTGGG
TGATTTTTGCAATTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3737 GU348534|Arabidopsis thaliana ecotype Bay-0 indole-3-acetic acid inducible 4
(IAA4) gene, complete cds

TTTTTTTTTCAAATTTTGATGCTTGAAACATTAGGGTTTGTTAATTTATAGGTCAATACTCCGAGAGGGAAGG
TTATAAGGGATCTGATTTTGCTCCAATTATGAAGATAAAGATGGTGATTGGATGCTTGTGGGTGATGTTCCA
TGGCAGTAAGTTCCTTATTCTAATGTTCTTCAAGAATTTAAGATTTATGTATAACGAAATTCCAAACATAAATTT
TGTGGTGTTCAATTTAAATGCAGAATGTTTATTTTCATCTTGTAAGAGGATGAGAATCATGAAAGGATCTGAAG
TTGGAGGATTAAGCTGTGGCGTATGAAAAAGAAAGGGAAAAAACGATGAAGTTTGATTAAATTTCTCGAG
AAACAAAAAGAGGAGAACAAAGGAATGAAAAATTTCTGTTTCGGTTTCTCGGAAAAGAAAATCTGGTCCGTCG
GGAGAATTTCCGGTGACGGTAATCCGAACGGACGAAAAGAACTGTCGCGGAAGTAAATATATTTGTTTTCT
TTTGTTGAAAGTTTTGGATTTGTGTAACAAAGTTAGGGGGGGGCTTTGTGGGTGATAGTATGATATATTAAGA
TGACTTTTTTCTTTCTTTTGGGTTCATGAGATCTCGATGAACTTTGTAAAATAAATATGGTGTTGAAATG
AAATTGTAATTAATGTAATGCTTTGATTGAAAATGAAGATTGTTTCATTTTGAATAAAGTAATAACATTGTTT
GCTTGAGGATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3738 XM_002889451|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata leucine-rich repeat family protein,
mRNA

TCTACGAGCAATGCATACACCAAATGTTTATGGACCGGAAGTAGATATTTGGTCGTTTGGATGTCTGTTATTG
GAACTGCTGACCTTGACAGATTCCATTCTTGGGGCTTACAGAATTGCAGATCTTCGATCATCTTCAGATGGGTAA
AAGACCAGAATTGGCAGGCGACCTTGAGGAGGAATTGGGATCGATAAAGGAAAGCTCAATGTCTCAATCATC
AGTTCAAGAATCAGAGGGTCAAGAAAAAGACCAAGAACTAAAGCCCTGTTGATTGACCTGTTCCGTAAGTG
TACTCAAGAAAACCCGAATGACAGACCAACAGCTGAAGAACTCCACAGAATTTTGCTGGAGCACACAGTCAA
AGTTAAATCTTTACAAAAGCTAGATACATGAAATTAATACCCCGACCACCCATAACCTTATTCCAAATTCTGAA
GCCTTAGAATGATTGTATTAGCTTTCCGAATCCTTATGGTAGAGTAGTAGTTGGGCCTTTGCCCCAGAAAA
TCAGTTAGGCTCACATATTGATTTAGGATACAGTGGGTAAAGTAGAGTCAGGTAGATTATCTAATCGCAATGTA
ATTAAATCAACAATTCTTTAGGAAAATTTATCCACGTTCAATTAGTTGTGATGCAGTTGTGTAAAGAAAAC
TTGAGGTCATTTTAGAGAACGTGGGAACCTCATTAGTTGCTGTACCTCATTATTGGCTCCAACATAATCTTATAT
TATCAATTATTTCCCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3739 AY338256|Pyrus pyrifolia synptobrevin-related protein mRNA, partial cds

CTCTTTCTCCTCCAATATTTTGAACCCCAAATTTTCCGTCTCGCTCTATATACCCGCGCACTCAAACAAAATTTTG
GAAACACCAATTTCCGGGTTCTTTTGAAATGGGGCAACAAACGTTGATCTACAGCTTTGTGGCTCGAGGAAC
GGTGATCCTCGCTGAGTATACGGAGTTCACCGGGAATTCGCTAGCATCGCCTCTCAATGCCTCCAGAAGCTTC
CCGCTTCGAACAACAAGTTCACCTACAATTGCGATGGCCACACCTTCAATTATCTCGTCGAGAATGGATTCACT
TATTGTGTAGTTGCTGTTGAAGCTGCTGGTAGACAAATTCCTATTGCCTTTCTTGAGCGAGTCAAGGAAGATTT
CAACAAGAGATATGGTGGGGGGAAAGCTGCAACTGCTGTTGCCACAGTCTGAACAAAGAATTTGGATCAAA
GTTAAAGGAGCACATGCAATATTGTTTGGATCATCCTGAAGAGATCAGCAAGCTTGCTAAAGTTAAGGCACAG
GTTTCTGAAGTCAAGGTGTTATGATGGAAAACATCGAGAAGGTTCTTGATCGAGGTGAGAAAATCGAGTTG
TTAGTGGATAAACTGAGAATCTCCGCTCACAGGCTCAGGATTTTCAAGACACAGGGAATAAATGAGGAGG

>trans_s_3740 NM_116153|Arabidopsis thaliana ATOEP16-4; P-P-bond-hydrolysis-driven protein transmembrane transporter/ protein transporter (ATOEP16-4) mRNA, complete cds

>trans_s_3741 NM_001051148|Oryza sativa Japonica Group Os01g0815400 (Os01g0815400)
mRNA, complete cds

>trans_s_3742 NM_001057063|Oryza sativa Japonica Group Os03g0574600 (Os03g0574600)
mRNA, complete cds

AAACTAAGATCGAAGACCCACACTTCTTCACCTCCTTCTTTCCCTTTCAACCTTCTTCTTCATCTTCTTCATCTT
CTTCATCTTCTTCTCAATCCTCTCTCTACCAACCTCTTCTTCAACTTCAATTTCAAGTTGAAAATGGGAAGCAA
AGCACCAAGCTGGGCTGATCAGTGGGGTTGAGGAAATTACGGAGTGGAAGACGACGACAACAACATGCGG
TCACAAAGAAAGGGAGCAGCAATGGGAATAGTAGCAAGAAGATGGCAGAGGTAAAGGCTGCAGCTTCAGCT
GGATTTGTGAAGGCAAAGGCTGTTGCAACTGTGGGTGCTCAAAAAGTGAAATCTGGAACCTCGGTAGGCATC
AAATGGGTCAAGAATCAGTACCAGAAAAAGGTCTCCAAATGACTCCAAATATGTTTAGGCCTCTCCATTTTATT
TTCTTTTTATTGGTCTTTAAATATAGCTTTGTAGTCTGAAAACTTTTGTAGTCTTTTTTAGTTTCTGCATTTTGTC
AAACTCTTTTCCATAAACTTCAAACGACAAATGAGATATCATATCATAAATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCC
CGGCCCTCAAAAACTAATCAAACCCGCCAACCCCGGGGGGGGGCGGGACCCCAATTCCCCCTAAAGGGAG
CCAAATCCCCCCCCCCCCGGCCCGCTTTTTAAACGCCTGGCCGGGA

>trans_s_3743 AB010946|Arabidopsis thaliana mRNA for AtRer1B, complete cds

AGAAATTAGAAAGGAAAAATCAAAGCGATTGAAGAAACAAGGCAAACGGATTTCGACTTAATTCATCTTCTTCC
CAATTCGCTCTCAATTTTTTCCATTTACTGTTCTTCCACTTCCTTCAAGGGGATAAGTCTTTATGGAAGGAGTT
GGGGGCGACACGGCATCTGCAGTAGCACCTCTGGCTAAGTGGAGAAACGATTTTGCTAGAGCATTTCAATATT
ACTTGGATCGATCCACTCCTCACCCCGTCCAGAGGTGGTTGGGAACCCTTCTTGTTGCAGCAATTTATGTGTTG
CGTGTTTTCTATGTTCAAGGGTTTTATGTTGTTTCCTATGGATTGGGAATCTATATCTTGAATCTCTTGATTGGG
TTTCTTCGCCCCAAGGTTGATCCTGAGCTCGATGCTTGGATGGAGCTTCCTTGCCTACCAAAGGTTCTGATGA
GTTTAAGCCTTTCATACGCCGGCTTCCGGAGTTCAGTTTTGGTACGCCATCACCAAAGCTTTTTGAATTGCGT
TCCTCATGACCTTCTTCTCGCTATTGATGTTCCGGTTTTCTGGCCATTCTTCTTGGCTATTGGATTGTTCTATT
GTCCTGACAATGAAGCGCCAAATCATGCACATGATCAAATACAAATACATTCCTTTCAGCATAGGAAAACAGA
GATATACGGGAAAGAGGTTCTTCTGCAAGTAGCAGTGGCGCTTCAAGAGACTAAAGTTACATCATCCCCATCTG
GATAGTAGTAGACAGAAGAAGTGTGCAGCACTCCCAACTCTTC

>trans_s_3744 DQ868985|Gossypium hirsutum phytoeyanin-like arabinogalactan-protein (PLA1)
mRNA, complete cds

ATTCTTCCATTCATTTTTCCAATTATTCATTCTTTTTCTCATCTCTATTTCTCATTCGGGCGAGCCCATCCATCATA
TAACAACCATAATCATCCATGGCTAACTTTTCAATAGCTCTGTTTCTTTTACGTTTATCCTCTTCAGCTTCTCAG
AGGCTAGAGAGATTTTAGTCGGAGGCAAATCTAATGCCTGGAAAATCCCTTCTTCTCAATCTCAATCTCTCAAT
CAATGGGCTGAAACCTCTCGCTTTCGCATTGGCGACACTCTCGTGTGGACTTACGAAGAGGGGAAAGATTTCG
GTACTGAAAGTGACGAAGGAAGATTATGAAGCCTGCAATACAGAAAACCCAGAACAGAGATTTCGAAGATGG
GAAGACGAAAGTGGAGCTAGAGAAGCCAGGGCCGTTTTATTTTCATCAGTGGGGCAAAGGGTCACTGCGAGC
AGGGCCAGAAGCTGATCGTTGTGGTCTTGACACCTCGCCGGAGGTTTCATCGGGATCTCTCCTGCGCCTTCTCC
GGCGGAAAGTGAGGGTCCGGCGGTTGCTCCGTCTAGTGAGCTGCTAATTTGAAGGTTGGGTTTTTGGCGGT
GGTTGTAGGAATTTTGGGTGTTGGTGTGGGTGGGTTTGAAGGATTGGGAAGTATTGATTGGGTTTTTTTTT
TTTTTTTTGTTTGATTTAAAAATGGGATGCAACCTCCATATTGGTGGATGAATTAATAAATTATAGATAATA
TAATATTCATTGATTTTTTGGAAAAAACAACAAAAA

>trans_s_3745 AC007627|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F15F15, Chromosome
V, complete sequence

GAATTCAATACATATCAATTTATATGCATCTGATACAAAGCAGTATCAAGAAAGCAAAGCTATTAAGAAGCTA
CCACGTAAGGCACTTCTTCCATTGAATTTAATCTGTACTTATTGAGCATGACAAACAAAGTATGCATTATCAAG
AAATCGTGAGCATGAAGCAGCTGGCTTCACAGTCAATCCCATCTAATCTTGCAACCCCAAGCATTGAGAATTC
AAGTATCTCTGAGGAGAGCGTAAACCTGAGAGATGCATGCAACTTGACTTTCTTGATCCGGAGGCAGCAGGT
TCTAAGTGCAAGGTCGAAGCCTCGTACTGAGACTTTGTTTAGGTTTACGAGCTTAACATCCTGAAGGCATGTTA
GGTTCCCCATCATCATGCATAATCCACATCCGAGACAGCACAAGAGCTCACATTTAACTGCCACAATCAAACG
AACAACCTCAGGTAGTGCTTGATCCATTTCAAGAAGCAAATACAAATCACGTAACATACTTCATTTAGTCTTTGA
GAATGCTTGAGAGATGTTTCTTTTAAATGAATTAATCTTCTATAAGGATTCCGAAAAGAAACAAATCTTATTA
AATGCTTCCACTGAAAGCACTTTCAGTATTCTCAAGTTAAAAATAACTCCTGAAAATGTAGCCATATATTAT
GAAAATTTAAAGTGTTTTAAATAGTATATTGAATAAACAATCCCAATACTTTACACGCTACTTTCTGGAAGGT
AGGGATTACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3746 NM_126741|Arabidopsis thaliana cytochrome c oxidase subunit 3 (AT2G07687)
mRNA, complete cds

GGGATTGGGGTTTTAGATCCTTGGGAAATCCCTTTTCTTAATACCCTTATTCTCCTTTCATCCGGAGCAGCCGTA
ACTTGGGCTCATCATGCTATACTCGCGGGGAAGGAAAAACGAGCTGTTTACGCTTTAGTAGCTACCGTTTTACT
GGCTCTAGTATTACAGGCTTTCAAGGAATGGAATATTATCAAGCACCCCTTCACTATTTGCGATAGTATTTATG
GTTCTACCTTTTTCTTAGCAACTGGCTTTCATGGTTTTCATGTGATTATAGGTACTCTTTTCTTGATCGTATGTGG
TATTCGCCAATATCTTGGTCATCTGACCAAGGAGCATCACGTTGGCTTTGAAGCAGCTGCATGGTACTGGCATT
TTGTAGACGTGGTTTGGTTATTCTATTTGTCTCTATCTATTGGTGGGGAGGTATATGAAAGAACTTGTTAGTG
GATTGAGGAATTCAAGCTCGAAGACAAAGAGAATCGGGCTTTTCAAAGAATTACAGCAGCTTTTCTACTCCC
TTTCATTATTATATACCACAAAGTCTCTCCACTTTCCTACTAAATCTCTCTTTATTCTGGCACATAAATTCAGGG
ATCGAAGAGATTATGGCAGATTATGTTACCAAGAAATGACCCGAAATTGGATCTTGGTCTATTTGAGATTGT
TCCTTTTCATCTCCATCAAAGATCTTTTCTTGGCTCTCAGGGGGGGGAATCCGCCCCGATCTCCAAGCCGTTCA
GACCTTCTGCTTGAAGTATACTAAGAGGCACACTGAGTAC

>trans_s_3747 NM_100940|Arabidopsis thaliana polygalacturonase (AT1G10640) mRNA, complete cds

TGTAAGGTTGAGGGATCGACGGTCATGGTTCGGGCAGAGTATGTGTTCTTCGTAGGACCCATTTCTTCTCTG
GCCCATTATGCCAGCCAGACATCGTATTTAGCTGGATGGAACAATTATCGCACCCACTGACCATCAAACCTTGG
GGGAAAGGACTCTTACAATGGATCCAATTTACAAAGCTGGTAGGGATTACCATACGAGGAAATGGCATAATT
GACGGAAGAGGATCCGTTTGGTGGCAAGATTCTTCTTTTGATGAGCCCATAGACGATGAGATGAAACTCATT
TACCCGTAAACAATACCAGAGATGAAACAAAACCAACGCCGATAGGAAGCAATCTAGAAGGGAAAAATGCCAA
GTATCAAGCCAACTGCACTTAGGTTTTATGGAAGCTTCAATGCCACGGTCACGGGAATAACAATCCAAAACAG
TCCCAATGCCACCTCAAGTTTGACAACTGTGTAGGAGTCTGGTTCACGATATCAGCGTCTCATCTCTGGAG
ACAGTCTCAATACTGATGGAATTCATTGCAAAATTCCAAAGACGTTCTAATCCATAGCACCAGTCTATCTTGT
GGAGATGACTGTGTTTCCATTCAAACCGGATGTTCAAACGTATACATACACAATGTGAACTGTGGGCCAGGAC
ATGGAATCAGCATTGGAAGTCTAGGAAAGGATCATACCAAAGCCTGTGTTTCAAATATAACAGTTTCGAGATGT
CACAATGCATGACACGATGAACGGCGTTAGAATCAAACATGGCAGGGTGGA

>trans_s_3748 EU714076|Thellungiella halophila ST103-2 mRNA, complete cds

TCTCTACCACATTTAGGCTCCAGATCTTTCCTTTTGCCAATCTCTCCCTAACTTCATCGCTTCACCTCTATTTTC
ATCGTAATCGATTTCTTGGGTGTGATTCTGTGAGTTAGAAGATGGCAGCAAATACATAGTAGGTTCTTTACTT
GGAGCAACTGCAGTTGCATATATCGGTGACCATCTTATTTCTGACAAGAAAATATTCGGAGGAACAACCTCCGA
GTACTGTTTCAAACAGTGAGTGGTGGGAAGAACTGACAAAAAATTCCAAGCATGGCCTCGTACAGCTGGTC
CACCTGTGGTCATGAACCCCATCAGTCGCCAAAATTTCAATTGTCAAAGCCGCGACTCTAAATGTTACTTGGG
TTGTCAACCTTTTTGTGGAAATACTTCTAGTCATTAAGCAGTTCTAATCTGCTTTTTATTTTGAGCGGTGAAA
TTTGAAAGATTTGTTGTTGTTGTTGTGATAGGCATTCTTATTTCTGGTGTGAGGATGTTTCATTCTAAATAAAT
CAGCGAAAAAAGAACTTCCCCTCATGTCTCTTTAAAAAATAATGAATGATTATTGTTTTATTTATACTTT
GATTTATGGGATCTGGTCATCTGATTGTTTGTAAACCGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAN

>trans_s_3749 GU983666|Malus x domestica apetala 2-like protein mRNA, complete cds

ACAGCACATGCAGCTGCTCGTGCTTACGATAGAGCGGCCATTAAATTCCGAGGGGTAGAAGCGGACATAAAC
TTCAGCATCGAAGATTACGAAGACGATTTAAACAGATGGGAAATCTAACAAAGGAGGAATTTGTGCATGTA
CTTCGCCGACAAAGCACTGGATTCCCCAGAGGGAGCTCCAAATATAGAGGCGTTACGCTTCATAAGTGTGGA
AGATGGGAAGCTCGAATGGGCCAATTTCTTGGCAAAAAGTATGTTTATTTGGGTTTGTGATACGGAGATTG

AAGCAGCAAGGGCTTATGATAAAGCTGCAATCAAGTGTAAATGGCAAAGAAGCTGTCACCAATTTGACCCCA
GCATCTACGAGAATGAACTGAATCCGACAACCTGAATCAAGTAGCAATTTGGGGGATCATAGTCTTGATTAAAG
TTTAGGGAATTCAAGCTCAAAGCAAACGACAGCTCAAATAATGGTTCCATAGGTCCACAACACCATTCTTCTT
CTTCTTCTCAGCTGATTGGCAACGCAATCACGGATTTAGGCCTCTTCAGCTAAATTTGGAAAATGGAGGAGG
AGGAGGTGGAACAAGAATTACAATAATAATGTAGAGAGAAGGAATCGGTACCTGGAGAGTGAAACCATGC
AGCTGCTGAGCCAAACACACATTCAATCTCCATCTCAATTCAGCCGCCGCACACGGTTGGTGGTGCACCAGA
TCATCACCCCCACTCCCAAATATTGCTTCACAATCACAATAATCAAACCTTCAATTA

>trans_s_3750 NM_104170|Arabidopsis thaliana GPCR (G PROTEIN COUPLED RECEPTOR); abscisic
acid binding / catalytic (GPCR) mRNA, complete cds

ATTCATCAGCAGCAACCGACTAAACTGCTCCGAAATCCTCAATTCACTCTCTCTGGTGCACCGTCTCAACGTCC
CTCACCTTCTTTTTCATTGAGGATCGGAACCAACCATCTGAGAAGCACACGCAGAGATGGCAGACCGATTCTTTC
CAAACCCAATGCCACGCTTCCCTGCCGAAGCACCGCCGGACGAACCTCGTATCATCCCATTTCTATTCCGCCACT
CTCATTCCGACAGAGCTCCTTTCATTCCCACGCTGCACTTTTCGATCGCCTTAGACAGACAGCTCTCAACCTC
AAAGAAACGGTCGTGAGAGAGACGTGGACGTTGAGTGGAAGGCATCCGCAGGATTATACTTTGTATACTGGA
GCATTAGGAACGGCTTTCCTGGCTTTGAAATCGTTCCTTGTTTTAAAAATGAGAATGATCTCAAATTGTGCTC
TGAGATTGTCGCTGCCTGTGAGTCTTATCTAAAAAATCGAGACATGTGGCATTATCTGTGGCCGAGCTGGA
GTTTGTGCTCTTGGTGCAGTTGCAGCAAAGTTCGCTAATGATGGAATGCTAGTTGACCATTACTTGAAAAGT
TTAAAGATATCAAACCTACCTAGCGATTTACCAAATGAAGTCTATATGGCCGAGCAGGGTTCTTATGGGCCTG
CTTATTCCTAAACAAGCACATTGGACGGAACACGATATCTAACACTTTTATGAGATCAGTGGTGGATGAAGTC
ATGGAGGCTGGTAGAAGATTGGGTGAGAAGAGTAAATCTCCTTTA

>trans_s_3751 BT025592|Arabidopsis thaliana At4g15800 mRNA, complete cds

TCCTCTCGAAACCAACGGGACTTTTGTATTGATCCTCCAAAAAATGGGAATCTCACGCGTTTCTTCTCTCCT
TGCCGCCTTCTCATTATTGCCGCTCATTTTCTCGTCTCCATGGCGGCTGCCGTCGATTTCTCTGGCGACCACAA
GCTTCTCTTCTGTTCCGACCACATCCGATTTCTCAACGACAACGATGATTTCCGGTTTCGGAATGGAGTTCCAGA
TGGACTCTGAGATCAATCGCCGAATTCTAGCGACTACTCGTTACATAAGCTACGGTGCTCTTAGGAGGAACAA
TGTTCTTGCTCTCGTCGTGGTGTCTTATTACAACCTGCAGACCAGGCGCTCAGGCGAATCCTTACTCCCGTG
GTTGCAGCGCTATTACTCGCTGCCGAAGTTGATTTCTGATCACTTGATTCATTTTTTGGAAAGTTAGATTCGTGCT
CGTACTCTATCGGTTAGTTCTTCGTGTGTTAATACTGAATATACATGTCGATCGAGTAATAAAATTCATATATAT
ACACTGATGGTTGAAAATGTAATTTAATTTACATCTCTGTTTTCTCCGAGTCCTCTACATGATTTTTTTTTTTTCTT
TTTTCGTGGCTGATTCTTCTGGTTTATTTCCGAAATCATTTGTTCTTGTTTGGAAATTGGTAATACAGTGGTAGGA
AGGAACAGATTATTTGTGTAAATTGCTGGTGGATCTTGCTGAATTTGCAAGGCCTTAGACCATTATTATTTGA
GTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3752 D50085|Cucumis sativus mRNA for NADPH-protochlorophyllide oxidoreductase,
complete cds

CAAGGTGCCCCGTGTTTTTCAAATCTGATTACCCCTCAAACGTCTCATCATTGTCGGATCGATTACCGGGAACA
CAAATACCTTGCCGGAATGTACCTCCTAAGGCCAACCTTGGTGACCTTAGAGGACTTGCTGGAGGATTAA
CGGCCTAAACAGCTCTTCGATGATTGACGGTGGTGAGTTTGATGGGGCCAAGGCATACAAGGACAGCAAAGT
ATGCAACATGCTCACTATGCAAGAGTTCCACAGGCGATATCACGAGGAAACCGGCATAACATTTGCTTCCCTC
TACCCCGGATGCATAGCTACAACCTGGTTTGTTTCAGAGAGCACATTCCCTTGTTTCAGATTACTTTTCCCTCCATTC
CAGAAGTTCATCACCAGGGCTATGTTTCAGAAGATGAAGCAGGAAAAAGACTAGCTCAGGTTGTGAGTGAG
CCGAGCTTGACAAAGCTGGGTGTATATTGGAGCTGGAACAAGAACTCGGCTTCATTTGAGAACCAGTTGTCTC

AGGAAGCAAGTGATGCAGAGAAAGCTCGGAAAGTGTTGGGACTTGAGTGAGAACTTGTTGGTTTGGCTTAA
AATGTGAAGCTTGAAGTTCTTATAATGGTCTTTCATCGCTAAAAGCTGAGCTCATTGTGAGTTGCGGGAGTTTG
TAACTGTGATGTTGTGTTGTGTAAACAAATTTTCTGTTGTAAAGTAGTTGGTTGACTTGAGTTTAGTCGCTAA
TAAAAGCTCTCAACGTTCCCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3753 NM_100397|Arabidopsis thaliana emb2394 (embryo defective 2394); structural
constituent of ribosome (emb2394) mRNA, complete cds

CCATTACTTTTTCTCCCTGTTTTCTTTCTTTCTTCTTACGATTTTCATCAGCATATTTCACTCCTTTACCCTTGT
AAGGTTCTGGGGGTCTCCATTGTCTAATAGAGGCAGCAAAGTACCAATGGCACATTTATCATATCCACTCACT
GTAATTCTTGTTTTCTCCACTTTTATCTGAATCCCATCCGGTATCGCCATTCTAACTGGATGAGAGAACCA
AGATTTAATACCAGGTCTTTTCTTCTACCATCGCTCGATAACCGACGCCGATCAATTGAAGTTTCTTTTCGAAC
CCCTTCGATACTCTACCGCCATGTTGTCCGTAAGCGTCTGAAAAGTCCATGCATTTGATTGGCTCTTCTTGTC
TCTAGTGCTTTCTTAACTCTTATAATCCAGAATCTTCCCTCTCAATTTTAACTTCTCGTGGATAAAGAATTGAAA
GTTCTCCTAAAGGACCCTTAACTTTCAAATCCTGACCCTGCAATGTGATGGTAACATTGGATGGCACTTGAATT
GGTTGCTTCCCTATTCGTGATTCTTGCATTCTATAGTCTTCTCAACAAACCAATATGACATACAGGCATTGCA
GAAACACAGAACCCATTTTTTCTCCAAAAATGTAGACCGAAAGTTGTTAGGTGAGTGTATCAAAGTTGGAG
GTTGAAGAGAAGGAGGAGAAGAGAGTGCCATTACGAGTGTGAGAACAGAACCCCAATGAGAAAGAGCG
AGAGAGACCCACTTTGGGTCCGATTACGAAGAAGAT

>trans_s_3754 DQ450842|Solanum chacoense SWIb domain-containing protein (SWIb2) mRNA,
complete cds

GGCTGGTCTGCAACCAGCCACGCCACCGCTCGTCTCTTCCGACGCCATCTCAAGGGGCTGCAGTCGGTAAAC
GCCCTTTTCCCTATTCTGTATCTCAATAGGTTCTGTTCTGTGAGCTCCATCCGATCGCCGACATTTAGATCAG
GTCCGCCCTGGAGTCTGCGGTGTGCAAATTGTATTGCCGTGAGAAGCCCTGCCGGTTGCCGAAGTTTGAAT
TTTGGTGGAGGAACAACTAGTTGTGCACAAAATGACGATACGACGGATGAAGATGGCCATGACAGATAAC
CCAAAGAAGCTCGCAAAGTTGATTGATCTCGTAAACCTTCTTCAACTCTCAGGGAGTTTGTGGGACAGTCCCA
AATTTCTCGTCTTGATGTTTCAAGTGTGTGTGGTCATATATTAACCAACAACCTCAGGATCCCACCAACA
AGAATGTGGTCGTTTGTGATGAGAAGTTAAAAAGTATATTGCTAGGCAAGCCCAAGGTTGAACTAGCCGAAC
TTCCTGCACTGATTAAATTACATTTCCCAAAAAATCCCAAGTGAGCTATGCTTGCAGTTTAGCCTCTGGCAGCT
CGGAATGAGGTCTTCAAGTCAGTCGCCAATGGTTAGAATGTTTAGCCTCAATTTGTATAATTGTCCTACTAGG
TTTTTTTTTACTATGTGTTAAATAAACCTTCAACGCTACTTTTGTGATTGTAATTTGGTTCGTATACTTTTAAG
AAAGATTTAGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3755 EF205417|Physalis pubescens mago nashi-like protein 1 mRNA, complete cds

AGTCGCAGAGGTGGAGGGAGAGGAAGAAAGACGAAGCTTGAAAGCGGTAGCCATGTCTGCGGAGGATTTG
GAGAACGGAGAGTTTTACTTGAGATATTATGTGGGGCACAAAGGGAAATTTGGACATGAGTTCTTGGAGTTT
GAATTCGACCCGATGGAAAGCTCCGCTATGCTAACAACCTCAACTACAAGAACGATACCATGATTCGCAAGG
AAGTCTACCTCACCCCTGCTGCTTCGGGAATGTCGTGCAATCATCTCCGACAGCGAGATTATGAAGGAAGA
TGATAATAATTGGCCAGAACCAGATCGGGTTGGACGACAGGAGCTTGAGATTGTGATGGGAAATGAGCATAT
CTCCTTCACTACGTCTAAGATTGGATCTCTTGTGATGTGCAGAGCAGCAAGGATCCTGAAGGATTGCGGATA
TTCTATTATCTTGTTCAAGATCTGAAATGTTTCGTCTTTCTCTCATTTCACTCCACTTCAAGATCAAGCCAATTT
AAAGACGGGCCAATATTCTACTGTGCAATTTGAGGAACGTGTACTTCTCCAAAGTGTGAAATCTTTTTTGGGG
TTTTTGGGCTATCTGAGAATTCTTATCGTATATTAATGTTTGGTTTCTGAATGAATATTCAAATTTGGAGATTT

GGAATCTGTATTGTTTTAGAGTTCCATCTTCTGGATTTCATTGCGTGCGGAAGACATGAATTGGTATTGATC
TCCATGTTGTTGAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3756 NM_001036363|Arabidopsis thaliana APK1B; ATP binding / kinase/ protein kinase/
protein serine/threonine kinase (APK1B) mRNA, complete cds

TATACTCCCAAATTATAGTTCAATTCAAGGACCCCCAAAACCTTTCTTTCTCCCTTACCCATCTGAATTTGATTTTC
TTTTCTTTTTCTTCCAACATCCAATTTTGGGATTCTTCTTTGACAGCTTGGTCATGGAAATCCTTCTCCCTT
TTCACACTTGCAACCCAAATCCACTTCTATTACGGGCTAGCCTTGCTCTAGCTCCCACCCCTTCCCCATTCCA
CCCCTTGTTTCTACCCTTTTTCGCTATTCTACTTTCCCTCGTCTGGACTTGTTCTCTCCATAGCTTTCTTCGAGC
TTATTATTCATGGGGTCTGCTTAGTGCTAGGATTAAAGCTGAGAGCCCTCTTCATAACGGGTTGAGCTCCAA
GTATGCAAGAGATGGGAATGATAAAGGGAATTCAACCAGCAAGTCATCTGTCTCAACCCCTCGGACCCCTCGA
ACAGAGGGCGAGATCTTGAGTCCTCAACTTGAAAACTTTGCCTACAATGAGCTTAAAGCTGCCACCCGAA
ACTTCCGTCTGATAGTGATTGGGTGAGGGTGGATTGGTTCTGTATTTAAGGGGTGGATTGATGAACAGTC
CTTCGAGTTACCAAGCCCGGACTGGCTTAGTCATTGCAGTAAAAAACTCAACCAGGAAGGTTTTAGGGT
CATAGAGAATGGCTGACAGAAATTGACTATCTAGGCCAGCTGCACCATCCTAATCTTGAGATTGATTGGCT
TTTGCTTAGAGGATGAGCATCGACTTCTCGTATAT

>trans_s_3757 AY206003|Malva pusilla glutathione S-transferase Z1 mRNA, complete cds

GGAAACACAAACCGGAATCTTTCTATTCTCAATCATCAGCTCATTTTCTGATTCTCTGGATTCTCCGCTCATCG
GATCACCATGACCTCGCCGGCCGAGCTTCTTCCTGAAGCTTACTCTACTGGAGGAGCTCTTGTTCTCACC
GTGTTTGAATTGCCCTCAACTTGAAACGTCTAAATTACGAGTACGAGGCTGTTAATCTACTCAAGGGAGAGCA
ATTCTCTCCCGAGTATGAGAAGCTTAATCCTATTGGTTATGTACCCACTCTTGTTGGATGGTGATGTTGTTG
CCGACTCTTTTGCTATAATCATGTATTTGGAGGAGAAGTACCCTCAGAATCCTCTGTTGCCTCGTGACCTTGGT
AAAAGAGCTATTAATTACCAGGCTGCAAATATCGTTTCTCCAGCATAACAGCCTCTTCAAATCTAGCTGTTCT
GAAGTACATTGAGGAAAAATCTGGTCCAGAAGAAAACTTCGTTGGGTTCTACATCATATTGAAAAAGGTTTT
ACAGCACTTGAAAAGCTGCTAAACCTCATGCTGGGAAATATGCTACTGGAGATGAAATCTCTCTGGCGGACT
TGTTCTTGCTCCTCAAATTCATGGCGCCATCAATAGATTCAATATTGACATGTCCAAATTTTCTCTATTAAGCA
GGTTGAATGAGGAATACAATGGTATAGCAGCATTTCAGATGCAGCCCCAGCGAAGCAGCCTGACGCTACTC
CAACCTCTACTTAATCCATTTCCACTACTTCTTTTATTCTC

>trans_s_3758 Novel Gene

GGATCTTTTTCTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTGAGTGAACCGATCCTGAGTTTTCAATTCTATATTTTAGTT
TTGAGGTTTCAAAATTTGATTTAAATGGATGAACTATTTAGGAATAAGGTTTTGTGTTTCTAGTGGTATTTTTA
GGGGTTTTGAAAAATGTAAACACCAATATATTTGCAAACGGAAAAAGTCTACGCCACGTTGGAAACAATA
TCTTTTATATTTGTTGAGGTTTAAATTTTATATTTTGGTATGGAATATTTAGAAAAATAAATGAGAAAAAA
AATGTAAACGAATGGAAATTTTGAATATTTAAAGAAATAAATGGAAAAAAGAGATGGGAAGGAA
GTACATATTTAGAAAAATAAATAAGACGAAAAAGAGACCACTTGAATATTTAGAAAAATAAATAAGAAG
AAAAAGAGAACTGAATATTTAGAGAAAAATAACGAGAAGAAAAAAGAAATAAATTAAGAAAAATAA
AAGAGAAAAATAAACTAAAGAAGGATAAATTGGAAATGTTTAAAGAAATAATTGAGAAAAAATTATA
TGAAACGGAAGATCAATTTTAAATATTTAAAAAATATGGTCTCTTCATGTGATTTTTTTGTTTTGTTAGATTA
AATATTTTGATATTTGGTGTATTTAGGAAATATTTTTTCTATTAGCCTTTGATCAAATATTTACGAAATTATT
TTGAAATGAAAAATTATATAGTACAATTTGAAATATAGT

>trans_s_3759 AY224188|Medicago truncatula adenosylhomocysteinase (AHC1) gene, complete cds

ACCCCTCCCTTCATATCTTCATTCCCCACCAATAGCTTTATGCTTCCGCCATTTTTTTCTTTAATTTCTTTTCCAG
AAGCATCGACTATGACTCCCTTTGCTTATTTATCCATGGCATCGGGAGTACGAAAATATGCGAAATCGATTTC
AATCGGTACTACATGGACAGGCATTGCCGACCTATCGACGGGTTTGCCATTTCTCGTTGGTTCCACAGATTTT
CTGACTTCTCTAGCCCTAGCTGAACTGATTTCTTGTTAGCTGAATCGTTTTCTTGTTTCTGACTTTTTATTAGTT
TGGTTTTATGAAATTCAACTGCTCGATGATGATTGTTTTGCTTTAACCACACCGAAGCGAGCTGAGGCTGTGT
CCTGATCCTCATTCTTTAAGCTTTTGAGGTGATTTCTTCTTGTTATTGATTTTCGCTGACGACACTTCCTTCT
ACGATTAGAGGAATTGTTTTTTCTTTTTATTTCTTCTTTAGAGGGAAGACGAAGGGAATTTCAATTGTTT
GAAGTGATTTCTTTCTGGGCCTAAACGTTTTAGGATTCACCAGCTTCGAGTTTTAGCATGTGGAAAACCTTGGC
CTTTTTCTGAGAGCAATTGTTGGTTATTAACTATTTATGTTTGTCTTGATTGTATTTCTGATGCTTTTGCTTTT
GAGTATCAATTATTCAAATGCTTCGGTTTGTTGATAATTTCCATTTTTTTCTCGGTAACATAATTTTGCCTGG
GAATTTGCAACGCAAAATATATTCCTT

>trans_s_3760 NM_122401|Arabidopsis thaliana AtGDU5 (Arabidopsis thaliana GLUTAMINE DUMPER 5) (AtGDU5) mRNA, complete cds

CAGACCTAATAATTTCCATTTACCTTTTTTAATTCCCTCTTCTCCTTTCCATTTTTCCCCAAAAGAGAGATTTTC
TTCAAACAAAATAATATCAATGGAAAGCATCTCTCCGTCGGCACAATACTATTCGCCATCGACCAGTCCGAAC
ATGGCAGAAAGAACGCCGTGGCACTCGCCCTTGCCGTATCTCTTCGGCGGCCTTGCGGCGATGCTGAGCCTAA
TCGCCTTTGCGCTTGTCATTTTAGCCTGTTCTTACTGGAACCTCTCTCGGCGAGACAGAGACAACGCTGATTTG
GAAACCGGCGACGCAACGAAGCAAAAACCGGCTCGAAGATACCGCCGGAAGGTTAACTACGACGACAA
TGTTTTGGTCATAATGGCTGGAAACCAAATCCGACGTTCTTAGCTAGGCCTGTATGCATAAAAATTTCTCCG
CAGTGGAAAGCCCACATCAATGGTGAATCGGAAGAGAAAGAGACAGCTGAAAATTCGAGAAATCGAACAAA
GTGCACGATGGAGAAGTAAATACAGCGGTTGAGGAAGAAATCGAGTGAGTTTTGAAGTAAAGTTGTACTGA
ATTTTGATCTCTGTGTTCTTGAACGAGAAATTTGCCCTAAGGGTTCTTACTGAGCTCTGTTTTCGGCTTCTTC
GTTTCGAGAAATTTGTAAATTACAATGGAAATTAATTATTACATAAAATTTTTGTAAAATCTCTCCCAATTTGTT
AGAGACGGAAATCTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3761 AY112530|Zea mays CL5251_1 mRNA sequence

GAGGAAAGCCTGGACCTCATAAAATTCAAGGAATTGGAGCTGGTTTTATACCAATAATTTGGATGAAAGTGT
AGTTGATGAAGTCATCGAGATAACCGATGAAGAAGCTGTTGAGACGGCAAAACAATTGGCAATGCAGGAAG
GCTTACTGGTGGGTATTTCTCTGGAGCAACAGCAGCTGCCGCATTGAAAGTGGCAAAAAGACCTGAGAATG
CTGGAAAACCTGTTGCGGTTGATTTGCGAGCTTTGGCGAACGATACCTATCCTCCGTCCTTTTCATTCAATCC
GAGAAGAATGTGAAAACATGCAACATGAGCCATGAAGTACCATTTTATAATCTGGTTCCACAATTCATCACACC
AATGCAGGAAGGAATATAAGTGAATGGGAGACCACCGAAGCTGGGCCAAGTGATAGGTTATTGTTGGTTG
GCTTTGTTTATTTGGGGTTAAGACCCATAGTTATTTGGTGTTTTAAAGGTAGGCTTTATGTTGGTGCAATTTG
AATAACGTGTTATTTTTGTTGGAGAGAAGAATATCCCCTCTCACATTGACTGCAGTCTATGCGACGTTTGGATT
TTGTAAGTCGAACACTTGCAAATTTCTTCTCAATAATTTAGTAACAATAAAGGCTTTCAGTGGTCATGTTTAT
TTGTTTATTTATTCTTTACGACAATAGCAAGGTTGGAGGAACAAGTCTCTAACTTCTAAAATGAAAGATTACG
AACTTATCGTCCTTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3762 AB218781|Prunus mume Pm27 mRNA, complete cds

ATCTATCTCCACCCAATCTGCTGCCCCGATCAGAATCCAAGTCACCCACAACATTTTCAATTGACGCTGAGGCG
AGGGTGAACAAAGCAGTGTTCTTGCGACGGCGAAGTCACGTGATAGCCTAACTTCCACTCGCCTCTTAAAAGC
GCATGCATTACGCGCCTTCTTCTCTCACTCAATCCCTATCTTCTCCCTACGTTGATTTACGAGAGAGAAAGAG
AAAGAGAAAGAGAAAGAGAAAGAGAAAGAGAGAGAGAAAGAGTGGCGTGGAATGACTCGAACTATTCGC
TTTCTTCTCTCTCTCTTGTGGTAATGGAATGAGATTAGCCTATTTCTTCTCCTCCTTCTGCCCCGTAATTCC
TTCGAATTCTTCGCCTCCCTCTCCCCTGTCTTCTCCTAAACCCTAACCCCTCTCCATTGCTAACCCCTTCTCTTTT
CTTTCATTCATTTTTGTGCTTCCCTTCAATTTTGTGCGATTTTCTTTTTTGGGTGCGGTTGATCTCTCCCT
TCTGACTTTTTGTGGATCTAAATTTCTGTAACCTTGAAGCTGGTTGAAACTCAAAATGGCAAAGGGAGCA
AGGGACGTGCGAGGTTGGCTTCCCGTCAATTCAGGTCAAACCCGTATCCACTCCCTTATAAGAGGGTTTTCCCA
GAGGATTTGTGCCCAAGGATTGTGTCAACGCTGTGGATAAGAAGTACTGGGAAGACTCAACATGCTCGGTT
TGCATGGAGTACCCACACAATGCTGTTCTGTTACTTTG

>trans_s_3763 XM_002306146|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T1.1), mRNA

AATCTTATCCTTTCCTTCATTTTCATTACCCTTCCGTTTCCCTTTTGTCTTAACTTCAACAGATCGCTATTTCTTCT
TTTGGGAACAAAATTAATCGCCCCCTCTCTCTTTGTGGGGTTTTTCTTCTTCTCCTCCTGCGTTCTTTGGTCT
GTAATGGAGAAGAGAGGCTATTCTTAAAGGGATTCTTCTTTTTCTTCTTCCATCTGTTCCCTTTGATTTCT
TTTGAAATTTGGTGATTTGGGTGAGTTTAAAACGATTTTAGATGGGGTGTCTAGTAGTATACTGGGTTTTCT
TCGGTTTTGGCTTGGGAACCTCGATTGGGCTGTGGCTGGATATTACATGTTTCTATTTTTCAGCCATCAGAT
GTCAAGGACCCTGTTGTTGCGCCCTTGGTTGAGCAAGATACTGCCTCATTGTTGCGGATGATGCCAGAAATAC
CTCTATGGGTGAAAAATCCTGATTATGATCGTGTGACTGGCTTAACAAATTCCTGAAATTATGTGGCCTTAC
TTGGACAAGAACAATTCAAAATACAAAATTGATGCCGTTGAATTTGACGCTTAACATTGGGCTGCTTACC
GCCAACTTTACAAGGAATGAAAGTTTATATGACTGATGATAAAGAGCTGATCATGGAGCCGTGTATGAAGTG
GGCGGGAAATCAAATGTTACTGTTTCACTGAAAGCATTGGATTGAAAGCGACAGTTCAGGTGGTTGATTTG
CAAGTGTTTGCTAATCCCCGTATCACCTAAAGCCTT

>trans_s_3764 BT030028|Arabidopsis thaliana At5g01370 mRNA, complete cds

ACATTCTCTATCTACCAACCCTATTCTTCTATTCTCCTCACATTTTAAACAATGCCAACTCAGCCCACCCCA
ATTCCGGCTGCTTCTCCGGCATCCTGAGGCGGCTTCTTTGCACCGGCAACCTTCCCACTCACCCATCTGAAGCT
CTACACGAATCACAATTTGATATACCAAAGACAGAGGCCAACTCGCGGCTCAATCGGCCGAGTCCACACCCG
GCGTGGTGGCTCGACTGATGGGCTTGAGTTCGCTACCAGACGCCAATTGGGTCCCGAACCACCAAGTCAGAC
CAGGTGCAGTCTCGCGCAGCAAGTCCGTGAATTTGCTGATTATTTGCTTGATTTGACTCTAACCAATCCAC
CACCGCCGAATCCGAACCTCCGCTTCGTTCCGCGAGGTCCCACCATTGAACCCACACAATGATTTCTTTGTTCTA
TACACTAAGGATTGTTTCAATGGTTATGGGATTGAATCCAATTTGAAGAAACCCGAAACGCAGCGTTTTGACG
AAGGAAAACAGAGTAGTAATGATTTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAATGCGAGGAACGAAAT
GAAGATTTGGAAGCTTAAAGATGAGCCAAGAAGGGTAAGTAGAAAGAACTTCACTGAGAGCAAAAAATGCA
GCATGGGTAAAGACTCGTTCTCTGTTTTACCTTCATGTAAACACAAATGCAAACGGACTATCCCTAGAAATGAG
AGTGCTGTTATTGAGAAGAAGCCACTATGCAAAGGAAGCCACCATT

>trans_s_3765 XM_002884667|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mRNA capping enzyme family
protein, mRNA

TTCAAAGATGGCGATCCCTCCTTTTATTCAGGAAAGATTGTGGAGTGCTCTTGGGATTCTGATGAGCAAGTAT
GGGTCTGCATGCGAATTCGGACAGACAAAACAACCTCAAATGATTTCAATACTTATAAAAAGGTAATGCGGAG
CATTAGAGACAATATCACGGAGGAGGATTTGTTGAAAGAGATTCATGAGATCATACGCTTGCCCATGTATGCA
GATAGGATAAGGAATGATAGTAAAGCGGCTCAACATACGAATTCAACACGACGGAGGTGATAGCTAGAAGA

TGGTGCACAGATACAGAAATTAGGCAGTATTAGTCGGTAATGTTCCGGATGAGATGCTCAAAAAGGGTTCCTAT
GTGTCTTGCTTGTTCCATCTCTGTTGCCAGCTAAATTTATGATGTCTCCTTGGTAGAGTTGTGCATATATATTAT
TTAAAAGGTGACCAAGATGTCCGCCATTAGCTTCTTCTTTGTGCTATCCTTTAGTGTGTGCAAAGCCTGGTGAG
TTGTATGATCCAGTCATTGCACTTGATAGATGTCTTCAATTAGGGCTTTGAAAATCCATTTCTTCTAGTTTTCCA
GGTGAAGAGATGTAGGATTAGGATCCATCATGTATATTAGTATTATTTTACTTTCGTTATTTTAGCAATTGCTA
AGCAGCAAATTGAAAGGCAGTCATTTTAAGTAAATCTGAGCCAAATTTTATAGCAAGGTTTTACATTTTACTA
TTGTGAATAGCCTTTTACTTAATGAACATGTCTCTTCTCTAAAA

>trans_s_3766 AY097399|Arabidopsis thaliana AT5g64130/MHJ24_11 mRNA, complete cds

TTCTTCGAGCAGATTAGATCCGGGGGTTCAAAAATTCATCCTTCTCCTCCTAATTTCCCCCGTCGCCATTTTCG
CAGCTTCAAAGGCTGCAATTTTATAATTATTGGCGTTGCTGCTTACCTGAGCTTTTCTAGTTAATCATGTCTGAG
CATATCAAAGAGGCAGAACGAGTGGATGGAGATGGACATGTTGGATCTGAAGAATCTATGTCGTCATCTCGT
AAAGAGGAGGAAGTTATAAAGAAAAAATATGGAGGAATTGTTCCCAAGAAGCCACCACCTTATTTCTAAGGAT
CATGAACGTGCTTATTTTGATTCTGCTGATTGGGCATTGGGAAAGCAAGGTGTTGAGAAGCCTAAAGGACCTT
TAGAAGCTCTTCGCCGAAATTACAGCCAACACAACAGCAAACACGATACAGGAAGTCTCCTTGTGCTCCATC
AGATGGTGAAGATGGAGGAAGTCTCAAAATGAATATGCAACTTCGAATGAATGAATAACAGTTGCCGCTTG
TGCTTGTTGTATCGCACTGTTGTTGAATGCCTGTCTAGGTATGAGCAATTTCTTTGTTTTTTAGAATACAATT
GCTCAGGTTGGGGATTTGTTATTGTGCTTACACTAAGAATATCTATTGTATGGAGAATGGTAACTAGATTGATC
TATTTCATATTTCCATTGATTACAATCGATGAATATTATGACTTAATTTATAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3767 AJ237751|Nicotiana tabacum mRNA for tonoplast intrinsic protein (TIPa)

AACCAAACCTCTTTCCAAGTTTCTTGTAGTTCAGTCCTTGAAGTCCGAGAACCAATGGCCAAAATTGCAATTG
GAAGCATCGGCGAGGCCTACCAGCCCGATTGCATCCGAGCCCTCATCGTCGAGTTCATTGTCACTTTCTTTTC
GTCCTTGCTGGTGTGCGGATCAGCCATGGCTGCCAATGCGTTATTGGCAAACGCACCTGTGCGGTTTATTCGCCGT
TGCAGTTGCTCATGCCTTTGTTGTGGCTGTGATGATCTCTACTGGCCACATTTCTGGTGGCCACCTCAACCCTG
CTGTTACTCTTGGTCTACTTTTCGGTGGCCACATCACAGTCGTTTCGATCCGCTCTATATTGGATTGTTCAAGTGC
TAGCAGCTTCAGCTGCCAGCTTCTTGTTAACGTACCCACCGGAGGCTTGGTCACTCCAATTCATACGTTAGCA
AGTGGGGTTGGGTATCTTCAGGGAGTGATATGGGAGATTATTCTGACATTCTCCTTGCTTTTCACTGTGTATGG
TACAATTGTTGACCCAAAAAAGGGGGCTCTTGATGGGCTGGGTCCATTGCTGACTGGGTTTGTGGTGGGGG
CCAACATCTTGGCTGGTGGAGCTTTTTCAGGAGCTTCAATGAACCCAGCAAGATCATTTGGGCCTGCTTTGGT
GGCTGGAGACTGGACTGACCATTGGGTTTACTGGGTTGGGCCTCTTATTGGTGGTGGGCTTGCTGGATTTCATC
TATGAAAACCTCCTCATTCAAAGATCTCATGTCCCTCTACCT

>trans_s_3768 FJ222389|Glycine max heat shock protein 90-2 mRNA, complete cds

AGGTCTGAAACTTGACGAGAGTGAAGATGAGAAGAAGAAGAAGCTTTGGTGGAGAAGTTCGAGGGG
CTATGCAAGGTGATCAAGGATGTTTTGGGTGACAAAGTCGAGAAGGTTGTTGTTTCAGACCGTGTGTGGATT
CTCCGTGCTGTTTGGAATACTGGTGAATATGGATGGACAGCCAACATGGAAAGAATCATGAAAGCACAGGCAT
TGAAGGACAACAGCATGGCTGGTTACATGTCGAGCAAGAAGACCATGGAAATAAACCCAGAGAACCCCATCA
TGGAAGAGCTCAGGAAGAGAGCTGATGCCGACAAGAACGACAAATCCGTTAAGGATCTTGTTCTCCTTCTTTT
CGAGACCTCCCTTCTAACATCCGGATTACGCTCGACGAGCCAAACACCTTTGGAAACAGAATTCACAGAATG
TTGAAGCTTGGATTGAGCATTGATGAGGAATCTGGAGAGGGTGATTCCGAAATGCCGCCTCTTGAGGATGCC
GATGCCGATGCAGAGGGCAGCAAGATGGAGGAAGTCGATTAATTTTGAAGTATTTTGAAGACGGTAGCAT
CTTTCAAGGTTTTCTTATGTTATGATTTGATTTACAACCACAAACATATAATTTGTCCAGTCGTTTAGTTTAGTG

TTTGCCTTACTTTTTTCATGCTTTGTTTTTCTGGACAAAGTACTGAATGTTATGTTTTCACTTCAAATTTTTGTG
GCAGCTTAAGTGATAATATTTTGCTCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3769 XM_002889363|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Os01g0254000, mRNA

ATACTTCATTCTCATTCCACTCTCCGGTGATTTTTCCGGCTTCATTCTTACACATTCTATCATCAATCGGCGATT
ATGTTTCTCGTCGATTGGTTCTACGGCGTCTTAGCATCTCTCGGCCTCTGGCAAAAAGAGGCTAAAATTCTCTT
TCTCGGCCTCGACAATGCCGGCAAAACCACTCTGCTTCACATGTTGAAGGATGAGAGACTAGTGCAACATCAG
CCCACACAACACCCGACCTCAGAGGAGTTGAGTATTGGGAAAATCAAATTCAAGGCGTTTGATCTTGAGAGGCC
ACCAGATCGCTCGCAGAGTCTGGAAAGATTATTATGCTAAGGTGGATGCAGTAGTTTACCTGGTTGATGCCTA
TGACAAAGAGCGGTTTACCGAATCGAAAAAGGAGCTTGATGCTCTCCTTTCAGATGAAGCGCTGGCTGATGTT
CCATTCCTTGCTCGGAAACAAGATTGACATCCCCTATGCTGCTCTGAGGATGAGCTAAGATTTCATCTGGG
TTTGAGCAATTTCACACTGGCAAGGGAAAGGTTAATCTTACTCAGACCAACGTTTCGACCGCTCGAGGTTTAT
ATGTGCAGCATCGTCCGAAAGATGGGTTATGGGGACGGGTTCAAATGGCTCTCACAATATATCAAATAGTATC
AACAAGTGGGTAATTAGCATCCATTGTGCTCGTATAGGTTATCTTCTGTGCCAGACTGAAATTAGTTTGAGGTG
AAAATTTGTTACAGTTTGCAACTTGAGATTTTGTCTGTTGGA

>trans_s_3770 AF462836|Arabidopsis thaliana AT5g47570/MNJ7_16 mRNA, complete cds

TCCGATCGTTCTTAAGAACAAAGAACTCAAAGAGGAACAAGACGAAGATTTGGGAATCCTGAAGAACGAAA
ACCACCGAAAATGGCAGGCAAATTGACCAATTTGGGTTCAAAAATCCTTGGTGGAAATGGCGTTGTTGGTCGC
TCAATCGCTTCATCTCTTCGACTTCGCTCCGGCATGGGCCCTCCCGTCGGCAAACATATTGTTCCCGACAAACCC
CTTCCTGAGAATGATGAACTGGTTTGGGATAATGGAACCTCTTTCCCGAGCCCTGTATTGATCGCATTGCAGA
TACAGTTGGGAAGTATGAAGCCTTGGCTTGGTTATGTGGGGGATTGGGATTTTTTGCATCTCTGGGATTTTTG
GCAGTGTGGAACGATAAAGCGTCTAAGATTCCATTTGCGCCAAAAGTGTATCCATATGACAACCTAAGAGTGG
AGCTTGGTGGAGATCCAGAAGCTTAGATAGATATAGACCTCAAGTGAATGACCATTTTGGTAATGTTTCTTTT
CAGACACAAAAAATCCTTGTGAATCGTTTGCCTTTGGAATTTGCTATGCATCAAATAATGGATTTTGTGCTT
GTGCTGAAATCTCTCTTTGGCATTGCTGTAAATCACTTCTATATTTTGATTCTTATAATGAGGTTCTGAAGACCC
TTTTGCCACCAATGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTATCATTTTAAGATGAGATGGGGGAATT
CTATCGAATTCAGCAGTCACTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3771 AF196288|Medicago sativa subsp. x varia Ser/Thr specific protein phosphatase 2A B
regulatory subunit alpha isoform mRNA, complete cds

ATTAATTCCATTTCTAACAATAGTGATGGTGAGACATTTATCTCTGCAGACGACTTGCGAATAAACTTATGGAA
CTTTGAGATTAGTGATCAGTGTTCATATCATTGACATGAAGCCTTCAAACATGGAAGATCTTACAGATCATA
ACGTGCGGCTGAATTCCATCCTCTGCACTGTAATCTTCTTGCATACAGCAGCTCGAGGGGTTTTATACGTCTAGT
GGACATGCGCCAGTCTGCATTATGTGATCATAGTGCTATTCTCTTACGAATTGAAGAATTGAATCGACAAAAT
CATTTTTTACGGAGATCATTTATCCATATCAGATATAAATTTTTCAAGTGATGGACGGTTTATCATTAGCCGGG
ATTACATGAATTTAAAGGTTCAAATAGTACTGGTGATGGAATGTTTTCTTGTGAATCTGTTGTCAGTAAGTAG
AACCATTATTCTAACTGTTGCAGACCTCTCAAGCGAATGGGATATGTTTTATTACAGGTCACGATGTTTTTTA
CCTGTTAATTATTTGGTTTACTTGTTTTTTTCTTTTTTTCTCGATCTACTTGTGATGAGCTACTTTTTTTCTG
TTTAATGAACCTGAGCATAGTTCAATTAGTTGAGGCATATGCCCTTGATCAAGAGATCAAACCTTTCAAAGTTTA
ACAAAAAATTATTCTATTTTGTAGTTGTATACATGTTGGCTTGATATTCTCACAATGTACTTGAGGATGTGAA
CCTTCCGGGAATGGGATGCAAATGCTAATGAC

>trans_s_3772 XM_002889886|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cornichon family protein, mRNA

GCATATTTTCAAAGCCTAAATTTGATTTGATTTCCAAAAGCATCTTCAGAAATCTGACCCCCCTAACCACCCGACG
GCGGCTTTTCGTCAACGTCGAGTTCTTCCGGTCATCCAAGTTCCAAATCCACTTTCCGATTCATCCTTCACCACAA
ACCTTCGTAAACTTCCGGTTCGTGAACTATAGCGTGAGTTTTTCATCCCTAATCTTCTTCTGTCATCTTCACT
TAGCCGCCATCTTGCTCCGAAATGGTGTACTTCAATCATTCTGTTCTGTTTAAACCAAGAATCACTGGTAATA
TAGTTTGGTTGACTGCGGAAGGGAAGAGGAGGAGCATGGAGGATTTATATGTGTGGCTTGATCATTCTTCTT
CCTCATTGCTCTTCTTATTGTCCTTGTTCATCAGAATAAATAAAGTGATTATGCCGGAGTTCGTTGCCATGGGA
GTTTTGTGCTCTTCTATCTTTTAACAGGGCATTGGGGTATGTCAATGTTATGTGGGCCCTACATATACTATAAT
GTGAGACTATATCTACGAAGACAGTACCTGGTAGATGTTACAGAGATATTCAACATGCTAAACTGGGAAAAG
AAGCAACGGCTTTTCAAAGTACCTATCTAGTTGTCCTCTCTCTCTTCTATATTCTGGATGATATATCATGCTT
TGGAAGATGATGAATGAATGAATGAAACAATGGCTTGCATGCTGTTGTTGATTGTATCTCAACGGTTG
TTCCATTAGTTGTGAGTTGAATTTCTATCTCTCA

>trans_s_3773 GU393308|Vitis pseudoreticulata DRE transcription factor 1 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATCCCGCTTGAGTTGAAAAGGGTTGATTATTACTGTTTCATACCCTTCTTTC
TGTAAGAAATCTACTTGTTTTCTTCTTATAACATTTCTGTTTTGAACTTAGTAAAGAAATTATGGCTGCTTGG
ATGGATTTGTATGGTTGCAGAGAGTTTCAGTCAGATCCATTTGGTGGTGAATTAATGGAAGCAATTGAACCTT
TTATGAAAGTTGCTTCTTCTTATTTTCTTCTTCTTCCGGAATTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT
TTCTTCTTCTATCCCAACAGAGTCCACTTCTTACCCTTCTGATTGCTCTCTCCGATGACCCATTTATTTTCCGAT
GGGTTTTCCGGTCAAGATTTCCGTGGCGTAGAGCAATCACCTTCTATTGGACTTAATTACTTAACCCCTTTTCA
GATCCAACAGATCCAATCTCAATTCGGTCTCCAGACACAAATCCAGCCAGTTTGGGGACAGATCAACAACCAG
GTAGTAAGAAATCAGAGCAACACCGCCGGAATCTGCTTGACCGAAGGGGATTCCGATGAAACACGTGGG
ATCTTCACCGAAATCGACGAACTATACCGAGGCGTGAGGCAAAGGCATTGGGGAAAATGGGGGGAATGAT
GAAGAAGAAGATCGAAAACAAGAACAGTCGCTGAAAAATCTCTCAAATTTTCACTTTTTTTCTTTTTTTTTTTT
TTTGAAAATGTGAATTCGCTCGGCCTCACTCT

>trans_s_3774 BT023435|Arabidopsis thaliana At2g03070 gene, complete cds

AAAGCGGAATCAATTGGAGCACCTCAGGCAAGCCTGGCCTCGCAGCCAGACCCGAGCGAGATCTACACTCGC
CGTACTCGTTTTATGTTACTCGCATCAAACAGGGCAACAAGTGTGCTTTCGCTAATGGCAACCATTGACGGG
GCGGTGCAGAATCAGCCTCAGCAGCAACAGCCTCTTCCGGCGCAGCAGGTGGTTTTCGCGGAAAGGCTAAAC
CAGGCAGTTCAGCAACAGTTGAACCTAGAGGCTCTGAAGAATCGAGCTACTACTCTCTTTAAAGCCATTTCTCG
GATCCTTGAAGATTTTGATGTCTATGGTCGCACCAATACCACACCTAAATGGCAAGACATACTGGGGCAGTAT
TCTATGGTGAATCTCGAGCTTTTCAACATTGTTGACGAAATTAAGAAAGTTTGAAGGCTTTTGGTTGTACATCC
AAAGAATGTTAATGCAGAGAACTCTACAATACTACCAGTTATGTTGTCTCCAAACTACTGCCTGAGATGGAG
GTAGATGACAATTCGAAACGATAGCAGTTGCTTCTTGGGATGCACAACATGCCAGTATCTACACAGATTGAGA
AATTAAAGACTAGAATTGAAATGATTGGAGCAGCCTGTGAAAGTGCTGAAAAAATATTAGCTGAAACTCGAA
AAGCATATTGCTTCGGAATGCGTCAAGGGCCAGCAATAACTCCAACCTTAGATAAGGCTCAAGCAGCAAAAAT
TCAGGAGCAAGAAAATTTACTCCGAGCTGCTGTAACTTCGGGGAAGGA

>trans_s_3775 NM_128185|Arabidopsis thaliana CID7; ATP binding / damaged DNA binding /
protein binding (CID7) mRNA, complete cds

TTTCAGCAAATTGGCTGCCATTTAAAAATGACTTAAATGTGAATCCTGCTGATCATTCAACAAATATTCATTGCC
AGTAGTAGCAGCAATAAAGAGGCTTCGCTGTCATCGTGCAAGGATAAGCCTGCCAACGAAATATTTCCAAG
AGATAGGTTCTCATCTTCTCCATTGACTTGAAATCAGGGGTGATATCATCAGGGAGCTGATGCCTCCAGAATT
GACGGGCCTCATCATCAGAATTATTTGATACAGATGACTCGGTCCGATCTAGAACAGCCTTTCCTAATGTCCCA

GAAGAAAATCTTTCTGTCAAATCTGGTGCCTACTACTTCCAACCTGGAGATGCTCTGAGGGCAAAGGGAATAA
ACTCAGCAGCATTTGGATTCAAAGCAGTCACCTTGCTTCCAACGTTTAGTTTTACCTCGCTGGTTTGCCTCCCT
TCTTGGATACATTATTATATCTAATACAAAATAGAATACTCACATGTATTTGAAAGGAAAAGAAAAATCCAG
TAGGGAAAAGCTCGTGTCTTTGTAGCCTCAACCAAAACCTTTACGAAACAAATCGAAGGGATCCATGGAAACG
GATCGGATGAAGTCAGAAGGGTAAAGAATTAAGATAAAGACTCGAATTTTATCTTCAATTACGAACTCTTT
GTGAGTATTTCTCTCTTTCTCTCTCGGTGTTCTATGAACCTTCACAACTCGTCTCCTCTCCCCACCTCTCTCTC
TCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCATCTTCTTCTTCTT

>trans_s_3776 NM_001053225|Oryza sativa Japonica Group Os02g0321900 (Os02g0321900)
mRNA, complete cds

TTTCGTTTTCTTTCTTCTCGGACTGAAGGGTATACTGTCTTTGCGAAGGCGAAGATTCGAAAATGAGTAAGCTT
CAGAGTGATGCACTGAGAGAAGCTATCTCATCTATTTTCACTGATAGCAATGAGAAAAAGAGAAAGTTTACTG
AGACCATTGAGCTTCAGATCGGACTGAAGAACTATGATCCTCAGAAGGACAAGCGTTTCAGTGTTCTGTGAA
GTTGCCACATATTCCCGTCCCAAGATGAAGATATGCATGCTTGGGGATGCCTCACACATTGAAGAGGCTGAG
AAGATTGGTCTAGAATATATGGATGTGGAAGGCTTAAAAAGCTAAATAAGAACAAGAAATTGGTGAAGAAA
CTTGCCAAAAAATACCATGCCTTTTTGGCATCAGAATCTATAATCAAGCAGATTCCTCGTCTTCTAGGCCCGG
TCTCAACAAAGCAGGAAAGTTCCCAACATTGGTGACACACCAAGAAACGCTTGAATCTAAAGTTAATGAGACC
AAGGCGACGGTCAAGTTTCACTGAAGAAGGTCTTTGTATGGGAGTCGCTGTTGAAACGTTTCCATGGAT
GAGAAGCAAGTCTTTCAAATGTTCAAATGAGCGTCAATTTCTTGGTTTCTTTGTTGAAAAAGAACTGGCAGA
ATGTTAGGTGCCTGTACCTGAAAAGCACAATGGGGAAGTCATATCGGGTTTTCTAAGCACTGTTAGCAATGTA
GTCAGTCTTGTGTGTTGATCTTTTTATTATCGACGTTATTTCTCTCT

>trans_s_3777 EU024516|Corchorus olitorius vacuolar proton pump subunit F mRNA, complete cds

TGCAAGAAATTAACAACAACTAAAATTCTCTCTTCTCTCCGTCGTGAAGCCCAGCGCCGCTCCAGCTTCGCGT
CTTCAGTCCGCTAACCGCCCAGACCAAGGCGCCGCGACCAAGATCTGTACCGCTAGCTGTCGTTAACAAAATC
CTCCGATTACAATTCCAGCTTCTGCTACATCTCATAAATGGCTGGCAAAGCTCAAATTCCTACCAAGAATTCAG
CGCTTATTTCTATGATTGCTGATGAGGATACGGTTGTTGGATTCTTCTTCTGCTGGAGTTGGTAATGTTGACCTG
CGAAGAAAACTAATTACCTTATAGTGGACTCGAAGACGACTGTAAACAAATTGAAGACGCTTTCAAAGAGT
TCACTACAAGGGAGGATATTGCAATAGTGATGATTAGTCAATATGTTGCAAACATGATCAGGTTTCTGGTAGA
TAGCTATAACAAGCCAATTCCTGCAATATTGGAGATTCTTCCAAGGATCATCCATACGATCCTGCTCATGATT
CTGTTCTTTCCCGAGTAAAGAACCTGTTTTCTACCGAATCAGTGGCATCTGGGAGGTATTAATGATATTGTA
ACTTTCTGTCCTCACTCTTTATGAAGTCATCCACCTTTATTCAAACATGCTGCATTTGCGTTCCCGCTTTATGCCT
TGAATTTATTTTGAATGCTTCTATTATCATATCGATCAATCGAATAAACTCGGAAAATACATGGCGTCAGAGGA
GCTCGTGGTGTCCAAACACCTTACAATGCCATTTATTTT

>trans_s_3778 DQ138370|Manihot esculenta neutral/alkaline invertase (nINV1) mRNA, complete
cds

AGAGGAGGCTTGGACAACCTTTGAGAGCTCATATTCACCTGGTGGAAAGGTCAGGATTTGATACCCCAGCTTCAT
CTTCCCGAAACTCGTTTGAGCCCCACAATGATCGCTGAAGCATGGGAGGCTTTCGCTAGATCCATGGTGTATT
TTCGGGGCCAACCAAGTTGGAACCATTCGAGCATATGACCACGCCTCGGAGGAAGTTTTGAATTATGATCAGGT
TTTTGTTGGGATTTTGTACCAAGTGCCTTGGCTTTCTGATGAACGGGGAACTGACATAGTTAAGAACTTCC
TGCTAAAGACGCTGCAGCTTCAGGGATGGGAAAAAGAATTGACAGATTCAAGCTTGGGGAAAGGTGCAATG
CCAGCTAGCTTTAAGGTTCTTCATGATCCCGTTAGAAAAACAGATACCGTTGCTGCTGACTTTGGAGAGAGTG
CGATAGGAAGAGTTGCTCCTGTTGACTCTGGATTCTGGTGGATCATTCTGCTCCGTGCATACACAAAGTCAAC

AGGTGATCTATCTCTGGCTGAAACATCAGAGTGTGAGAAGGGCATGAGACTTATTTAACTTTATGTCTGTCTG
GAGGGGTTTGATACGTTCCCACTTTACTTTGTGCTGATGGATGCTCCATGATTGATCGAAGAATGGGTATAT
ATGGTTATCCTATAGAAATCAAGCCCTTTCTTTATGGCCCTGAGATGTGCTCTGGCTATGCTGAAACATGAT
GCTGAAGGAAAAGAGTGCATAGAGCGTATTGTGAAGCGTTTACATGCC

>trans_s_3779 NM_122523|Arabidopsis thaliana ChaC-like family protein (AT5G26220) mRNA,
complete cds

CTCTCCAGAAAAAAGAGAAAAAATTTACCATTTCTCGGGAAGTGAGAGAAGAGATAGAGAAACCAAGAGG
GAGGAAGAACACAGAACTCAACCACTCTCAAGTTTCGAAGCTAAAACCCTAAATTCCTCCCCATTTCTCTCTGC
TCTTTGATTTTCTTTCATTTTCTCTTCTTTGTGCTTCGCATTGTTCACTAGATCAGACCAAAAAGAAGAAGAA
AAAGAAAAAAAATCTCTCTCGTTTTCCGGGAAAAGTTTTCGGATCTTTGCGAGTTTTAGAATCATGGTGTCT
GGGTATTTGGGTATGGCTCATTGGTGTGGAATCCAGGATTTGAATTTGATGAGAAAATTATAGGCTATATCAA
GGATTATAAGCGTGTTTTCGACCTCGCATGTATTGATCACAGAGGTAATCCAGAAAATCCTGCTAGGACTCTTA
CTTTGGAACAGGAAGAAGGAGCTATTTGTTGGGGAGCAGCTTACTGCGTGCGGGGGACTCCTGAAAGGGAA
CGAGCTGCAATGGAGTATTTGGAGCATAGAGAATGTGAATATGATCAAAAGACACTTGTTAACTTTTACAAGG
AAGAGAACTCTATTCAACCTGCGCTTACAGGAGTAATTGTTTTACGTCCACTCCGGACAAAGAAGTGAACAA
ATACTACTTGGGCCCTGCTCCATTAGAGGATATGGCTAGACAAATTGCAACTGCTGTTGGGCCTTGTTGGAAC
AATAGAGACTATATTTTCATGTTAGAAAAGGCATTATTTAACATAGG

>trans_s_3780 NM_001185734|Oryza sativa Japonica Group Os01g0860950 (Os01g0860950)
mRNA, complete cds

CATTTACAGCACAGCCCCTACCTCCACATCCACAAGGTTCTTCAAATTTCTGTTATTTCTTCGATTTTGTTTTGAA
TCTTTTTGTTATGAGACTCTACTGATTCGTTTTTAAAGAAAAGGGGGTAATCGCAATGGTGGACATCGAGGAG
GAAAAGGGAGGAGATAAGTTAAACGGTGTTTCTAGTTCGAGTAGTTTTTCGGGCAAATTGGTACACAAGTAC
AGAGAAATCAAAGAGAATGCAGAAAAATATCCTTATGTATGGGGATCATACATTATTGTCTATGGGGGAATG
TTTCTTTGGGCTGGGTATAGATGGAGAAAGCTTCGGAAGACGGAGGACAGAGTACGTATTTTACAAGAGAAG
CTTCGACAACATTATGAAGCAGAAAAATCATCCATCAACAATCAGCAAATTCAGTTGATAAAAATTCAACTCC
TTCCAAGCAGTAGCCAGATTTTGAATACGTTCTTCTTCTTCTAAAGATATTGGTTAGATTTTGTATCTCATTTGTT
CCGCTGTTAGGTTTTGATTTGTTTTAATTTAACAGGGATCCCATTTCCATTGATGACAAGTACACTGCTCTGTT
GTTGTTCAAATCAATTCTGCAATGCAAATTTAGGAGATAAAGAATAATGTTTTACAATGACTGGAATGCTA
GGTTGCGTCTTAGTTTTCACTGATAATACAAGGAAACCATTGCTCAAACGTAATACGATTTGAGTGATTGA
GGCTTTGTTTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3781 XM_002894473|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SEC14 cytosolic factor family
protein, mRNA

TTCCTGGATTCGGGAGAATTTTCATGATTAGACACACTGAGAACCAACAACGTGAAGCCTCTTCCCACCATCAT
TTGGAGGATTCAGGGACTCGAGAAGAATCTAAAGAATCAGCAGTGGACCCACTCTGGAAAAGGCTGCAAAAT
TTGGAAGTTATGGTGACGGAACCTACAAATAAACCTTCAAAAAATCCCTCTAGAAAAAGAGGACATGCTTCACG
AATCGCTGAATCGTATAAAATCTATAGAATATGACTTGCAGAAGACAAAGAGAGCATTGCTTGCTACTGCATC
AAAACAAGTGGAGCTTGCTGAGTCAATGGAAAGTATAAAGGAAAACAACCTAGTTGGAGCAAATTCATGTTG
GCCTAGAAATCGAAACCCATTTTGTATAGAAGTTGAGTGAAGTTGCCACCAGTTCGAAGTTTTGTCGAACAT
CAATTCAGATCTTTATTTGGGTCGAAAAGACGTTTCTCATCATAGAGAAGAAAATAGTATACACCACAGATAC
ACAGAGACATAGTTCCCTTGATAGTGCATAACACAGAATATCACACCCACACACATAATAACTGTTTCTTTTCC
AAAATTTGATTGTACATGATTTACACTTCTCTTTTTTCTCTTTTCTTTGAGTCCTGAAACTAATCTAATATA

TAGATATAAGAAATATACATGACCTCACTCAGTTGTGTATTATGTCAACTTACATTTTACTAAATATACAAAACA
TTTCTTGTTTTGTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3782 BT004675|Arabidopsis thaliana At4g16146 gene, complete cds

ATATTCCTCATTGCTATTAATAAATATGTGAAAAAGAAACTCTCCATCTCTTTAGCTCCCTATCAAGGTTTTG
CGTAAATTTGTATAGAAATGGAAGAGTTCAATGGTGGGTATGGAGACAACCTCTGTTACCTCCTGATCAACA
CGAAATGCCGAAGGGGAAGAAGTACGGAGGGTTGGTGCCGAGGAAGAAGCCCTTGATTTCAAAGGATAACG
AAAGAGCATTTTTTGATTCAGCGGACTGGGCCCTATGCAAGCAAGGGGCTCCTGGAGGTTACCAAAAAACAA
TGGCAATGGTTGAGACTCTCAGACCCAAATTACAGAGAACCCAACGGCAACAACCTCCCCACGGCGACCAAC
TTGCACTTCTAGACAAGACAACCTTGTACCGGAAGATTGATTGTTACTATAAGGTCTATCCATTTTTAGACCA
AAGATGAAAACCTAAATTCTATCTTTCCACATTTAACTTTTATTGGTTTTAGTTTATGAACTTTTAAAAGTTTTAT
TTTGATCCCATACTTTATAAAATGAATATTCGGTCTTTTATTATAAGAGATTGAAATAGTCATTTTTTTAA
GTATAAATGTCTAATGATCAAACTCGTAGAGAGGTTCTTTTAGTGCATGTCGTCGTTTTCTTATGTGATTAGTT
GAGTGTAATATGTAATGTAATGTTTATTTAGTAATAAATAGACAAAATCTTGTGTATATAACATTTATTCTT
TTGTTATAAGGTAAATAGTAATTGTACAAATCTTTT

>trans_s_3783 AB125975|Cucumis melo CMe-ERF1 mRNA for ERF-like protein, complete cds

TTCAAAATCTCATAACAATGGAACCTACCAGTTGAAGAAGACAACGACGACGAGTTCTCACCATTAAACCTCATC
CGATACCATCTTCTACAAGACTCCCATTCCTTCTCCACTCTCCGAGATTTTCGGATTCAAACCTCGAATTCGAAGAT
TTCGAGTACGTGAAACCATCGGAAGAGGAAGAAGAAGAGCCTCCGATTGAGAGTCCGAAGAGGCACCCACA
ACGACAATCGCCGCGTTTCGAGCTCGCCCGATGGGGGTAGGCGTTACAGAGGGGTTTCGGCGCGGCCGTGGG
GGAAGTTTGCGGCGGAGATTTCGAGATCCGAGTAGAAAAGGGAGTAGGGTTTGGTTGGGGACTTTTCGATTTCG
GATGTTGATGCGGCTAGGGCTTATGATTCTGCTGCTTTTAAGATAAGGGGAAGAAAAGCTAAGTTGAACTTTC
CGTTGGATGCCGGAAGTCTGACCCGCCGCCGGGAATGGCCGGAAGAAGAAGAGACGTGAGACGAATTTG
AATGCTTAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACACTTTTTATAAAATCTTTGAACAAATCTTCATTGTGGACTA
ATCATGAATTTTGTATATGAATTTCTAAATACACTAAAAAAGAAAAGGAAGAAAAGTCTAATTCGTATGCAT
AGTCAATTTAGTATTGTAATAGAAAGCTTTTGAAATATCAATTAGGTATGAAGTAAATGTTCTCTTTCATATA
AAGGATGATTTTCTGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3784 AL161550|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 50

ATTCATTTAAACCTTCTATTTGTAATGAGCAGCGATAGCAATAAACCCATCTTCACACTTGTTTTCGACGCCATCA
CTATGAAACACTCAAAACCAACATCATTACAAACAAGAAGCAAGCCTATGGACAAGAATTACTCAAATTGGG
CACAGGCTGTGGCCACTGCTTGGTGTTTCATGATGTTGTTAGGCCTTTTGTGTTGTTGTCTAAGCACCAATCCT
CGCCACCACCACGACTCCTCCGCCGCTAACTCTAGCTGCACTTGCGACGGCGGTTATGCAGGTGTTTGAATTTT
ACAACACGGATATAGATACAGAAATAGATATGTTTTCTTTTCAGTTTCATATCTGATTCTTTTGTGTTTTGTTTT
GCTGTGATGGGGTGTTTTGGTTTGTGATTATTATCTATTGTAAATAGAAACCGGAATTCAGAGTCATCTTTTTT
CTTTTCCTTCGCTTTTCTCTTGATGGTGACACCATCTGCATAGAATTGCTTCACTTCTAATTACCAGATTGAAA
TAAACGAAAAAGATTATTGTAATCAATTCAATTTGAAGGCCGGAATTGTTTGGCACCTTTACAGCCAAAAGAA
CAGAGTGGCTCCGGGAGCTGATCAGCCGCTTGAATTTCAATGATTTTGAAGTGAAGCTGATTGATTTGGAA
CCAACCACTTGACCCCACTCAATTGCCAATGGCCCTAAGGGCTAAGTTATTTCCCTAAATACTTCTATTTTCAA
GTCTTATGGTCGAAAAAACCTTTTTATATAAA

>trans_s_3785 AB015760|Nicotiana tabacum mRNA for histone H3, complete cds

AACTTTTGGCTTCTTTGACGAAGAGAAGGGATCTGGTCGAGAGAGAAGAACCGCCGAAGCGACATCAGATGG
CTCGTACCAAGCAAACCTGCCCCGTAATCCACTGGAGGGAAGGCTCCAAGGAAACAGTTGGCTACAAAGGCTG
CTCGTAAGTCCGCCCCAACACAGGAGGAGTGAAGAAGCCACACAGATACCGTCCTGGAAGTGTGCTCTTCG
TGAAATCCGTAAGTATCAGAAGAGTACTGAGCTTTTGATCAGGAAGTTGCCCTTCAGAGGCTGGTTCGTGAA
ATTGCCCAGGACTTCAAGACTGATCTGCGTTTCAGAGCCATGCTGTTCTTGCAATTGCAAGAGGCAGCGGAGG
CTTACCTTGTTGGATTGTTGAGGACACCAATCTCTGTGCAATCCACGCCAAGCGGGTCACCATAATGCCCAA
GATATCCAGTTGGCTCGGAGAATCAGAGGTGAACGTGCTTAGAAGATGTATTGTTGTTTGGTGAATGGTATTG
GCTGCAAGGAGGTGATCAAAAGACCTAATTGATGATGAAGGATGATGATGGGGGTGGTTCTATTTTTGTTTT
TAGCAAGGGTTAGTAGATAGTTTTATACTAGAAAACTTGTAGTGAATATGATAAGGGAGCATAATGCTTTTG
GTTGTGCATGTTAATGTTTAGTTGTGGATGATTTGTTTTTATTCTTTAAAAAAGGATGGAGGAGCTTAATTC
TGTATTTCCATTGATGAATTGTGTTTCTGGGGTATGCAGCCAACT

>trans_s_3786 NM_001056270|Oryza sativa Japonica Group Os03g0279900 (Os03g0279900)
mRNA, complete cds

ATCGTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCAAATTCTTTGATTTTAATTGTTAATTAATTCCATAAGTATGCCTCAGAGACA
CTCGAAGAACAATAACGATTTAGCCTTCTTCACTATGATGAGAAGCGGAAGCTCGGCTACGGAACCCAGAAA
GAGAGACTTGGTAAGGATTCCATCAAGCCCTTCGATGTCTGTTGCTTATGCTTGAAACCCTTCATTGACCCCAT
GTGCTGTCAAAGGGGTCACACCTTTTGTAACAGTGCATTCTTGAGTGCCTTTTGGCTCAGAAGAAGGATAAT
CAGAGGAAGCTTGCTGCATATACTGCTCAACAAAAGCAAGAGAAGGAAGAAGCAGAAGAGAAGTTAATGCA
GCAAAAAGCTAGAGAAGCTCGATGCATTTGATCAACAAAACCATGGTGTGTACCTCAATACAACGATCGAAAC
CAAAGTCGGGATAAGAATGGTTTCCATGGGGCAAATAGTGTAAGTCACATCTTACGAAGAAGAAGCACTT
CGAACCATGAAAGCATTTTGGCTGCCTTCAGCTACACCAGAAGCTCCTGTTAAAGCAGGAGCTCCTTCAAGCA
GTACATTCTGTCCAGAAGGTAATGAGAACTTAAGCTAAAGTCCCTTTTTCTATACATTTACAGAAGACAAC
AGTGAGCAAAAGAAATCAAAATCTTATGATGTTTCATACATCTGCCCCAGTTGTAAGGTTACTCTAACAAACAC
GATGTCTCTTGTGGCCTTAAGTACATGTGGACATGTCTTTTGTA

>trans_s_3787 NM_001069583|Oryza sativa Japonica Group Os09g0378300 (Os09g0378300)
mRNA, complete cds

TATGGATCGGGTGAAGTCTGCAGTAAACCTGAGCAGATGACAGATGAAGTTTGGGATTTTGTCTTTTGTGGTG
CTGCAGAACCAAAATCAACTGGAATCTCACAGTCAATTCTTAATAAGATGAAACAGGAGTTTGAAGTATTGGTA
TCCATTTGATCTTAGGGTTTCTGGAAAAGATCTTATTCAGAATCATTTGACATTCATTTACAATCATACTGC
AATCATGCCAAAGCGCCATTGGCCTCGTGATTCAGATGTAATAGGCACATCATGCTTAATTCTGAAAAGATG
TCCAAGTCTACCGGAATTTTGAACCTTGCCTGAGGCAATTGAAGAGTTTCTGCGGATGCTACACGATTCTC
ATTGGCTGATGCTGGTGATGGTGTGATGATGCAATTTTGTATTTGAGACGGCAAATGCTGCCATCTTACGT
TTGACCAAAGAAATAGCATGGATGGAAGATATTCTGCAGGCTGATTCTTCTTCGTTCCCTTAGAACAGGTCCTCC
ATCAACTTATGCTGATCGGGTATTTGAAAACGAAATCAATATAGCTGTCAAAATGACAGAGCAAAATTACAAA
GACTACATGTTTCGCGAAGCTTTGAAGACCGGTTTTTATGATCTTCAAGCAGCTAGGGACGAGTACAGGTTTT
CATGTGGTGCTGGAGGCATGAACCGTGATTTGGTTTTCCGTTTTATGGATGTCCAGACACGTCTCATTACTCCA
ATTTGTCCACACTATGCAGAACACGTTTGGAGGAATATGTTG

>trans_s_3788 AJ539160|Triticum aestivum sdh2-rps14 gene

GAATTTGTGCGTTCTTCAGCCGATTTGCTCTCTTCCATCGACCTCAATTCCTTGTCTGCTCAAACCTCGAAGAA
CTCAAAGGCAGCTACAGCCATTGCAGAGGATTTCAACCTTGAAGGTGAAGCGAAATGTCGGGGGACAAGCG
AAACATTCTTGATAATTATCGCCGACAGCTTGCTGCCAAGTTTGAAGGTGAAGCGGAATCTTTCAAAGCCATTT

GCAATGATCCGAGTCTTCCCAAAGATGTTCTGAGGAGCATCGTTATAAGCTGTGCAAGTTGCCAAGAAATAG
TTCGTTCACTCGATTGAGGAATCGCTGCATTTTCACCGGTGACCTAGGGGTGTCTACCAGCTTTTCCGTATGT
CTCGTATCGTTTTCCGTGAACTGGCGAAGAAAGGTCTTGTAATGGGTGTCAAGAAAGCTTCTTGGTAGATATT
GATTGATGGTAGAGACTTTTGTCTTGTGGCCAGCGGAAATTAACATATGCTCTGAAAAATGTAATATTAAT
TTAAGTTCCTTGGACATGATCCATGCCAAAGAAGAGCAAAGGCTTTACTTTTACTATTCAATAAGTGTTTTGTCT
TAGACAGTTAAGAATTGTGTTGTATTTTCTGATAGTTACCATTTCTTTTCCCCTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAATATCTGCTACTTACCCTCTTTTTTCTTTTACTGCATTTTCAATTGAGTTTTGGCTTAGTAGTCTAT
AAATTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3789 NM_180434|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S17 (RPS17D) (AT5G04800)
mRNA, complete cds

AGCAGCGGCAGCTTCACCACACCACACCACACCGTACTCTTCCAAACCCTTTCGTTTCTCTTTTCAGGTAAAGTT
TGGTAGAAGATGGGTCGTGTTAGAACCAAGACTGTGAAGAAGTCTTACGCCAGGTGATTGAGAGGTACTAC
TCGAAAATGACACTGGATTTCCACACGAACAAGAAGATCTTGAAGAGGTTGCCATCATCCCCTCTAAAGGC
TGCGAAACAAGATTGCTGGATTCTCAACCCACTTGATGAAGAGAATTCAGAAGGGTCCAGTCAGGGGCATCT
CATTGAAGCTTCAAGAAGAAGAGAGGGAACGTCGTATGGACTTTGTCCCAGATGAATCAGCCATTAAGATCG
ACGAAATTAAGGTTGATAAGGAGACACTTGATATGCTTGCTGCTTTTGGCATGTCGGACATTCTGGACTTGT
GGAGGTTGAGCCACAAGCTATGATTCTCCCAAGCTTTTGGCAGGGGTGCAGGTGGCCCAAGGAGATACTA
AGATAAGGTAATTGAGACTACTCAGCAGCTTTTTGGGAATTAGAAGTTTTTGTATTCAATATCATAAGGCCA
TGGATATTATTGTTGCTAGTTACTATCAGATTGGTCCTTAAATGTTTGACTTTTCTTTTAGTTTTGATTTGAAT
GGATGTTTAAATCATTTTGGACATGGATGATGATACTTTGTTTAAAGTTTTGGAGATCTCTGAAGTAAACGTT
TTTTTGCTATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3790 NM_179332|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein
(AT1G14710) mRNA, complete cds

GGTTAATGATCTTAGGGCTTCTGGAAAGAGAGGGCAATTTCAAGGTCAGACGTATGTGGTCTCGAAAAGACC
CACAAAGGGACATGGGAGAGAAATGATCCAAGTAGGCTTTCCATTGCAGACGCTCCTTACGAGGATGAGAA
TTCTTTAGTGCTCTCTAAAGATAGAAGAATAGAACCCATTCCCTCATTGCTTCAAGATCTCATTGATCGCTTGGT
TGGGGATCAAGTGATGACAGTGAAACCAGATTCTGCATCATCGATTTTATAACGAGGGTGATCATTCTCAG
CCTCATGTCTGGCCATCATGGTTTGAAGGCCTGTTGGTGTCTCTTTTACTGAATGTGAAATAACCTTTGG
TAGAGTGATTGGTACCGATCATTCTGGAACTATAGAGGTGCTATTAAGTTGTCTCTCACACCTGGAAACCTTC
TTGTGGTGCAAGGAAAATCTGCAGATTTTGCTAAGCATGCAATTCCTGCCATTCGCAAGCAACGCATACTTGT
ACGCTAACCAATCACAGCCAAAAAGAGCTTCACCAGCTGATGGGCAACGTTCTCTCTAAATGTAGGTACAT
TTTCTGGTTGGGGCCCTCCATCTGCTAGATCACCAACCTCGTCTTTCACCTGGACAGAAGCCCTACTCTAAT
GTTCCATCAACTGGTGTACTACCGGTACCACCCATTCTGCCCCAAATGGCACCACCAATGGCATCCCTCCTTT
AATTGTCCCTTCTGTGGCACCACCTATGCCTTTCACTCCCGT

>trans_s_3791 NM_001068880|Oryza sativa Japonica Group Os08g0533300 (Os08g0533300)
mRNA, complete cds

AATAACCTAAAAAGTGAGAGTATTTACATTCATTATGATTATACAAGTTAGAATCTAATGAAAGCAAATATTTG
ATGAAGCAAGTGTCTCAATATCAACAACCATTTGATTTGAAACTCTGCTGTATTACCGGAGGATTCTAATATTTA
CATCAACTCCCTCTTCCAAATATTACTTTCTCTACTGCTCCTCATGAACATGACTTTATCAAACCCAAGTTGTAA
GTACCTTCTCCGATCTCGACCGGAAGAGGTTTCTAAAGAGAAACCTGAGCCTTCTGTGGTGGACATTTTGA
CTGTTGTTCTGTCGTCCTTCACATGGAGTATCGTTAGTCCAATGGCTTCTCGTACTGCCTTTATGGTTTCGCTCCT

TACTGAGTTTCCAGATGCATCGGTCACGTAGAAAACATTACAGCCTGAGTTCCTCTGGTGCTAACCTCGGCTC
GGGTGACAGAAAGACCATTCTCTCTAAATATTCTCGTTACATCTGTAAAAAGTCCGACACGGTCTTCACTGCAA
AGCTCGAGTTTTATACCCTCAGTCGTTGCTCGCTTAATTGCGGCCTCTAAGCAATGGATTACCCTCTGTCTCTCT
GCTTCTGAACTAATAGGGCTTCCATCTACATGCCTGATAAAGTACTCCTGATAAGCCTCTGGTTCTTCAGCAAT
GATGGTTCATGGTACACCACATATTGCATATCAGTCAGGGTGCAAACCGTATCAAAAAGTAACTTAGGTCGG
TCGGGACATCTAAGGTTGACAACGGTGTATCCCTT

>trans_s_3792 NM_001059846|Oryza sativa Japonica Group Os04g0515400 (Os04g0515400)
mRNA, complete cds

GGCTCATTTACACACATTATTTCTCAACCCCAACCAGCCATGGGAGGGGGCAAGCAAGTCGATGTTGATGTGCG
GTGTTGACGACATTAGCCTCAAGGACCTCTCGTTAAAGCTCGAGGAGTTTGCCAAGGCCAGAACTGGGAGA
AGTATCATAGTCCTAGAAACCTTCTCCTGCCATGGTAGGAGAAGTAGGAGAGTTATCAGAAATATTCCAATG
GAGAGGAGAAGTGGAGAAAGGACTGGCAGATTGGGAAGAATCAGACAAAGAGCATCTTGGTGAAGAACTTT
CTGATGTGTTGCTTTATCTCATCAGATTGGCTGATATTTGTGGAATCAATTTGGCTAATGCTGCTACTAAGAAA
CTTGTTAAGAACTCCATCAAATACCCCAACCCCTTAGCTTTTTTATTATTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTTAA
TTTTCCCATCTTCTCTTCTATTCTTTTTTTTTTCTCCCATTTTGTGTACTGTAGTTTCCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAGAACACTACATAAGATATCCATTTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAC
ACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCGAAAAATTTTATATCCCCCGCCCCCAGGGGGGG
GCCCCGGCCCCCATCCCCCAAAAGGGGGTTTAAATAACCGGCCCC

>trans_s_3793 AY114674|Arabidopsis thaliana PRL1-associated protein-like protein (At5g58720)
mRNA, complete cds

GAGATTCTCCATTGACGTCAAAATCCAGTTCTCACACTTCTCTACCACTTTTTCTCCACTCCCATTTCCTCAATTC
CTCTAAAAACCTCCATCTCTATCCTGCTTCCCCATCCTAATTAGGGTTTCCAATTTCTTCAATTTCTCTCCCTCAT
TCTCTGCACTGCCACAAATTCCTTCTCGTTCTTCAATTTCTTTTTCTATTATATAAATTTCAACATCGCTTTCC
ATGAAGAACCCTAAGAATAAGAAGAAGAAGAAGGTCATCCCATCGTCGGCGTTGGGATCCACCCCTGCT
ACCAACAAAGATAATGTTATTAATTCCGTCGGTGTGGTGACGGAGGCGTTATCTGTGGCTTCTCTTAACGATCC
GTCGTTGCCTGTTCTAGAGAAGCTAGGGTTGGTCTGAATGAAGACGCTGATAGTTTTGACGATTTTCGCGACG
ACTTCTTCTCGTCTTCAAGTGCATCACGGCTTCGAGTTCGAGTTCGTATTCTCTGAGGATGTTTTAGATTAT
AAAGGTTATATGGGGAAGAAACAGAAACGGGTTGTTGCTTCTACGGGAACAATATCTACGGTTTTAGGGAAG
GATTATGTTGGTCTCATTGAAGAGGGATTGAGGAATAAATTCATGGAGTTTGACCATGGGAAGTTTTCTC
AACAGGAGGCAGAGCAATTCCTTTGCTCCATGTTAGGGGATGAGTGTGAACTGAGCATGGCCGTCGTAAGAG
ATGTGCTATGTGAGTACCCTTATTATCCTCATTCC

>trans_s_3794 NM_001065764|Oryza sativa Japonica Group Os07g0229900 (Os07g0229900)
mRNA, complete cds

AAGCTATCTCCTACCTTATCCTTCCCTCTCTTTTTCTTCTTCTTCTCGTATATGCATATCTTCAAATTTGCTGCTTT
TTTTGTCTGATTATTCATCTGGGTTTGTGTTGCAACAGGAAGGAGGAAGAATTTCAAATCAAGAAGAAAAATGT
CAGCTGATGAAGGTGCAGTTGTTGCCGAGGCTCCGGCCCCAGCTCTTGGTGAGCCAATGGACATTGAGACTG
CATTGCAACTTGTTCTTAGAAAATCATTAGCTCATGGTGGGCTTGTTCTGTTGCTACATGAAAGTGCTAAAGCA
ATTGAGAAACATGCTGCTCAGCTCTGCGTCTTGGGAGAAGACTGCAACCAGCCAGATTACGTTAAACTCGTCA
AGGCACTTTGTGCCGAGCACAATGTAAACCTGATGACAGTTCCAAGTGCAAAGACCCTTGGCGAATGGGCTG
GTCTTTGCAAGATTGATTCCGAAGGAAAGGCTAGGAAGGTTGTTGGGTGCTCTTGTGTTGTAGTTAAGGACTT

TGGGGAAGATCATGAGGCACTTCACATTGTCCAGAAGCACGTGAGTTCAAATTGATTACCCGAATGGTGGTGT
TTATTGGTATCACTAAGAAAGTTTTTGTCTTTAGTTATGTTTAGGTTGGTTCCCTGCTGCTGCTGAACACGTTT
TTACCCTGTAATGTTTTCTTTGTTATATTGATTGATGGAAAAATTTTCGGCAAACAAAAACACAATTTGTTTAT
CAAGAGTCTCCTTGCCAAGGGTATAAGGGAATTTAATTT

>trans_s_3795 AM075829|Glycine max mRNA for beclin 1 protein (atg6 gene)

AATGGGATGAAATAAATGCTGCATGGGGACAAGCTAGCCTTCTTCTTCATACAATGTGCCAGTATTTCAAGGCC
AAGATTTCAATATCGGATAAAAATACTTCCAATGGGAAGCTACCCCTCGGATCATGGAACATAACAATACATAT
GAACTGTTTGGACCAGTGAAGTTGTTTTGGAGCACACGTTACGATAAAGCCATGACGTTGTTCTTGATTGCTT
AAAGGAATTTGCTGAGTTTGCCAATTCTAGGGATCAGGAGAACAACATACCGCATGAGAAATGTTTCAAATTG
CCATATAAGATTGAGAACGACAAGGTCGAAAATTATTCCATCACGCAAAGCTTCAACAAACAAGAGTATTGGA
CAAAAGCTCCCAAGTATACTCTCTGCAATTTGAAATGGGCTCTCTACTGGTTTGTTGGCAATACAAATTTCCAG
CCCCTTTCTGCAATCACCGCATCACACAACGAAGTTCCTTCAGTTGGCTCTTCTATACAAAGCGCGGGGCCGA
CTCCAAGTCTGACTATAGAAATTTCTCGACCAGGTGATGACAAGTTGCAACATAACTGAATCTGTACAGGAA
GTCTAGGATTTAGTATCTCTCTCTCTTTCCTGTGTCCGTGCGCACATGAAGTCATATTCTTTTAGAGGTTCAATTG
CTGTTTCTTCACTATCTATTCAATTAGATAGCAAGACAATAGGTTAATGATGCTTGCTTTGTTTTTGAATAGAT
AATGAATGACCATAATGTCAATTTACAAGAACCTCTGAA

>trans_s_3796 BT010619|Arabidopsis thaliana At4g33100 gene, complete cds

TTGGCCGAGAAAATTTCCAAGAGCCGCCCGTAGTTTCAGGCCGCTGTTGCTTCTCGGATGGTCATTTGATGGA
GTGGTAGTATCTCAATCAATGGGCATCAAGAGAGAGAGTAAAAGCTCCGCTTCTGCAACATCGCCGTGTGCTG
ATCTCAGGGCTGCTTATCACAATTGTTTCAATCGATGGTACTCGGAGAAGTTTCGTAAAAGGTAATTGGGATGA
AGAACCCTGCGTCTCCGAGTGGCAGAAGTACAGAGCTTGCTCTATGAACATTTGGATGATAAGAAGTTGAA
GCGTTTCTTGGAAGAGGAAACGCTTGTTCAATTCCTCCATGAAATCTGATGGGAGTTAAGGATCAAGATAGTCT
TCCTTGTTGATGGTACGCTTGAATTCATTGGTTCTGCAATTACACTGACAGTTTATCTTGTTTGAGGCCATTAC
GAACTTGAAAACCATGTCTACTGTAATTCGCCATTGTTAGGATCAAAATGGCTGCACATTGAAGTTTAGTTTCT
ATCTCTCCCTCTTGACTGTACCACTATATTAGAACAATGGAGGGTCTTGCTAATTGTGATTTAACTATTTGAA
TTTTGAAGAACATCTGAACTTTACTTACTTGGTAGATTTCAACTAGACCAGCTTATTAGGATGACTTATTAATTG
AAAATCTTTTGTGTTCTATAGTGGGGTTCTAAGAGCCATTGTTACTGAACCAAANAAAAACAAAAA
AAAAAATAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3797 XM_002879749|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata esterase/lipase/thioesterase family
protein, mRNA

CACTTCCACTTTCTGTCATCTTTGCTTCCACAGAGATATCCTTCTCCATGGCTGCTCAACAACCTAGATGGCCTCA
CCTATGAAGAGGAATTTATATTGAACTCACGTGGGATGAATCTTTTACGTGCAAATGGCTTCCAAAGGATAA
GGAACCAAAGGCTTTGATCTTCATCTGCCATGGCTATGCAATGGAATGCAGCATCACCATGAATAGCACAGCA
GTTTCGGCTTGCAAAGGCAGGTTTTGCTGTTTATGGTATCGATTACGAAGGCCATGGAAAATCAGATGGCTTGC
AAGGCTATATTACAAGCTTTGATTTTCGTAGTGGATGATTGCTCCAATTTCTTCACAGACATTTCTGAAAGGAAA
GAAAACAGGAACAAAATGAGGTACCTATTAGGAGAGTCAATGGGAGGAGCAGTGGCTTTGTTATTGCATAGA
AAAAAACAGATTATTGGGATGGTGCTGTCTTGGTCGCACCTATGTGTAAGATTGCAGATGATGTTAAACCAA
GTCCACTAGTTGTAAGTATACTGACAAAGCTTTGCAATTTTATACCCACATGGAAAATTGTTCCAACCCAAGAT
ATCATTGATGTAGCTCTCAAAGTTCCTGAGATTAGACATCAGATCAGAACTAATCCTTACTGTTACAAAGGGAA
GCCTCGTTTGAACACTGGCCATGAACTCCTCAGGATCAGCTTAGATCTCGAGCAAAGACTCGATGAGGTTTCG
TTACCGTTTATAATCCTCCATGGAGAGGAAGATCGAGTGACT

>trans_s_3798 AY104278|Zea mays PCO069156 mRNA sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTAATTAAGACCAAAAGGGCATTGTATTGATTTGTTAATCTAAA
GCCAAAAATTCCTCTTTCAGTCACTAAGTTCAACATAAAACAAAATCGAAGACAAAACATCCCTGACAAAACAA
TAATTA AAAACCAAGTTGGAGTTCTGAAAACTAAGGCTGCAAAGCTTAAGGAGCATCAGAACCATAGAGAA
ACCATCGACACAGCCATAATAGTAGGAATCCCGGAGTAAGTAAAGCTTACAGCCTTCTTCCTCTTCTCCACCC
TTTCGGCGAGTGCTGTCTGTTGGAATTGGAGTCACATCCTCTATGCGTCCAATCCTCATCCCAGAACGAGCAAG
AGCACGTAGTGCAGATTGGGCACCTGGACCAGGTGTTTTGGTCTTGTTCCTCCGGTAGCACGCAGTTTAATA
TGAAGAGCAGTAATACCGAGTTCTTGCATCTTTGGGAAACATCCTGTGCTGCAAGCATAGCTGCGTAGGGG
GAGGACTCATCCCTATCAGCTTTTCTTCATACCACCTGTAATGCGACAAGAGTTTCCCTTCCAGAAAGATCAG
TCACATGAATAAATGTATCGTTAAACGAGGCAAAAATGTGAGCCACACCGAACACATGCTCGCCTTCCCTCAC
TGCAGGACCAAGAGTCACAGTCTCTTCCTTAGGCTCCCTGGTCTTCTCCTTGAACCAGACATGTTTACGAAAA
AGATGGCCGAAGTAGCTTCCCCTTTGTGGAGCTCTACG

>trans_s_3799 NM_001160800|Arabidopsis thaliana RNA-binding protein-related (AT4G28990)
mRNA, complete cds

ACAAC TAGAATTTAGGGTTTATGAACGTGCACCCGACCTTTTTCAACCATTTCATCGGCGTTCAAAC TTCGACC
GACCAATTTTCGTCGCTGCTCATCGTAGCAGGCTGAAGGATTAAGCAAACAACGCGAAACCAATGGGTTCCAG
GGATAAAGATTCTACCACTCACCACCAGCCGTTATTGAGCAGCCTTGTGTCCGACCTTCAATAGTGACGGA
GGTGGTGGCGGAGTCGGTGGAAACAGTGGCGGCCGTGTTGGTCGTGGAAGCGATTACGAGGCTGGTGAGG
TTCCCCGTGACCCTCCACAATATTCTCGATTGGGTGCATATTCAGATGATTTGGGTTCGTTATTATTCTACCGTA
CACCTTTGTCTTTGGTCGGTTTTTGAATTATTATTAATAAATTGTTGCTCTGCTTAAATTTTTTATATATCTTTT
GTTCTGAAAACTTATCACTGCGTTGAAATTAATCGGTTGCGACCTTAGGTTGGATTTGTATTGTGTTTTCTTTG
GTGGGAACTTATTTTCAATGATATAAAGTTTATTACGGTTTACAATATAGAGAGGAAAACCAACCTGGAGAT
TTCTAAAAAATTATGGAATAGGTTAAAAGGCGATTAAGGATATTTTGTATAGGGTGAGTAACGTTTATACC
AAGAAATTTGGTCTGTCGCTGTAATGGATTTAATATAGCTATCAAGAATCGTTACCTTTTGCAGTTAGAGGGCC
TCTTGCGCTCCTTTCTAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3800 NM_001065380|Oryza sativa Japonica Group Os07g0134800 (Os07g0134800)
mRNA, complete cds

CAACGAATTATGCAAAACAATGCTGCTGTTTTCCGAACGCAGGAGACCTTGGAAGAAGGTTGCAAAC TAATTG
ACAAGGCCTGGGAGAGTTTCCATGATGTTCAAGTCAAGGACAGGAATTTAATATGGAACACTGATTTGATAG
AGACCATTGAATTGGA AAATCTTTTGATAAATGCATGTATTACTATGCACTCTGCTGAAGCCAGGAAAGAGAG
CAGAGGAGCACATGCCCCTGAAGATTTACGAAAAGAGACGATGAGAACTGGATGAAACACACTCTAGGATT
CTGGGAAAATGAGAAGGTCAGACTGGACTATAGGCCTGTGCACATGAACACGTTGGACGATGAGGTCGAAA
CATTCCCTCCCAAGGCTCGTG TATACTGATGATTTTATCATCGAAGCTTCAGGTGATTTAATTTACAATAATGGA
TGATGAAAGACTACAGTAATATTCACAATAGGTAAGCTATGAGGACGGTAATTATTTAAATTCAGTTGTATCTC
CACTTTAAGCAGGTCGTTTTTATGCTTACAAGTAAATTATATCATTGAGCTCAAGCATAAATTCGATCTGCGG
GACAAAGATGCCCTTGTCTTTTATATATTCTGTCTTGTCTTTGCCATAGCCTACCACATGATATTACTGATTTG
AAAGCAGATGGACGTTTATGAGCTGCAACCATGTATCAAATTC AAGTAGGAGATTTCTCTTTTTTTACCCAATA
AAGTGTTATGAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3801 XM_002880056|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family
protein, mRNA

AAATCTAAATCTTCCGCTTCTTCTGATATCTCATTTTAATCTGCTCACCCCTGCTTGTGCACTTGACAAATTTAGC
TATGTCTACCTCTGCAATTGATGTTCTCCCAAGGGTGGCTTTAGTTTTGATCTCTGCAGAAAGAAATGATATGC
TTGCAAAGAAGGGTCTTAAATCACCTCTTACCTTAAGACTGGAACCTACCATTGTGGGTTTAATCTTCCAGGAT
GGTGTATTCTTGGGGCTGATACACGTGCTACTGAAGGGCCTATTGTTGCTGACAAAACTGTGAGAAAAATC
ATTACATGGCACCAACATATATTGTTGTGGAGCTGGAACCTGCTGCTGATACAGAGGCAGTAACTGACATGGT
TAGCTCCCAATTGCAATTGCATCGCTATCACACTGGCAGAGAATCAAGGGTGTACTGCATTGACTCTTCTCA
AGAAACACCTTTTTGGTTATCAAGGTTATGTTTCGGCCGCTTTGGTGCTGGTGGGGTTGACGTTACTGGACCT
CATTTACATACTATCTATCCTCATGGATCTACTGATACCTGCCATTTGCAACAATGGGTTTCGGGCTCTCTAGCT
GCAATGTCTGTATTTGAATCAAAGTACAAAGAAGGCCTGACCAGGGATGAAGGGATTGACTTGTAAGTGAAG
GCGATATGTTCTGGGATATTTAATGATTTGGGGAGTGGAAGTAACGTTGATGTTGTGTTATTACCAAGGGCC
AAAAAGATTATCTGAAAAATCACCTCCTGCCGAATCCT

>trans_s_3802 AL161557|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 57

ACTCAGCGACTGTGGCGTACGGTGCTGAAGATCGCACCAAAAAAATCTTTGGGGTTTCATCTTCAATGGAAGG
AATCGGATCCAGATTGGGCCGAGTCTCATCCCGGTATGGTCCGGCAGCCACCGTCTTCAATGGCCCCGTCCGC
AAGTGAAGAAGAAGTGGGTGTTAGCCTCTTCTCTTCTCCGGCCTCAATTACCAAACCTCTTCTACTCCCA
ATCCAACGCTCAGAAGCTTCTTCTCTGCCGCTGGACTCCGATTCATCCCCCTACTTCATCGGAAGCTGACGAAA
CTTCTCCACCGCCTGACGAGCCCCCAAACGCAAGTTCGGTTACACTCCTATTGCTGTGCTGGAGGAGCAGAA
AAGTGCAGAAACGAGAAGTGTTAAAGATGAAGTTAGAATGAAAGAAATGGATCAGTTGGCAGCGAAGACTG
CGGCGGCTGTGGGTAAATGAGGCTCTAGGAGAGCTAAATGTCAATGAGGTTTTTAAGGAAGAAACTCAGGAA
ACAAGCAAGAATCTGAACAGCCACGCGATGGAAGCAGGAACAACCTAGATTTGGCTTTGTGCTTGAATGGT
CAGAAAAAGGTTCAAGATTCTGCTGGCAAGAGCTCGTAAAATCTGCAAAAAGTGCAGGGCTAAAGCCGGTTT
TAACCCTATGGACAATGGTATAGCAGAAGTTTTTAGTTTCATATGTGAGTTAGTATCTCATCCCTTGGAAGTT
GGAAACATAATGTATTATAGCGACTGTTTGTGTATATATGATCTTAGG

>trans_s_3803 BT024555|Arabidopsis thaliana At2g38450 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTGTTTTTTTTTCTTCAAACCCAGCAAGAGGGCAACGATTTTCGTTGTAGGAAGAAGGAAG
AGTTTGCGGCGCTTCAGAATCTCCCCATATCATAAGGTCAAGGTTTCGGTTCAGTAATCGAAGCCGTTCAAGT
TCAAATACATGGAGATTAGCGGAGGAACAGAGGGCTTGAATCGCGTTCCTTTATCAGAAGTTGTTTCTGATTG
CGTCAAAAGATGGTTTAAGGACACTTTGAAGGAAGCCAAAGCTGGCGATATCAACATGCAGGTCTTGGTGGG
TCAAATGTATTATAGCGGTTATGGGGTTCCTCGAGATGCTCAGAAGGGAAGAATTTGGATGACAAAAGCATC
AAGAAGTCGATCGTCGGTCTGGAAAGTTAGTGATAAACATCCAGGCTATAATGCTAGTGATTGAGATTCAGAT
GAATTGACTCGTGATTCTTAACCTACACCAGTGTTGCTGATTTCTCGATGTATGTCAAACAACCACTGGATGT
GGTTTTCACTGTGGAACTCTACTTGCTCAGCTATCTTTGTAGCTCTACGCATACTTGCTTCTGATTGTTGGAT
TTGAAGGATGTAATATGCTTTGATTTTACCTTTACTCTTCAAGCAATTTCTCGCACTTTCTTGTGGTCAAATTACC
TAAATCTTATATTCATTTTTCATTTTCCCAAACCAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAA
AAAAAACCAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans_s_3804 AY295341|Cucumis sativus poly(A)-binding protein C-terminal interacting protein 6
mRNA, complete cds

ATCCTCATCCCTCATCGACCTTCAAATTAACCAACCAACCCAGTGGCTATGGATGTTGTCACTCAAAGAACTC
CTCTTCTCCGTTTCCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTTGTTTCGTTCCCATGGCGTATAGGACGGTCGAGGATTT
CTCCGACCAGTGGTGGGAGCTCATCCAGTCTCCCTGTTCCGTGAGTACTGGCTTCAAGAACGCTTTCAA
GATCCTCAAAATGAACTTCCGTTTGGTGAAAATGAAGAATTCGTCCTTCCGGATCTTGAAAGTTTCTTCGATGA

CTTCACTCGTCAACAGGAAGAGGAAGAATTGGAATTCTCGAAAGACTTAGTTCCAATGGGAGCTTTCAAATGG
CAGAAGGCTCGGTCTGGAGCGGAGGTTCTAAGTATGCTCAAAAGGCTCCCAAGATCGTGAACGTGAAAGTG
AGTCCGAGAACGATTCACCAACCGAGATAGATTTTACGCGCCCAATCGATTGCGTTGGAAAATGTGGATTGT
CACGAAAGGCACATGAATCTAGGCCATTTATATATTGGTTCGGCCCACTTATGTTGAACAAAAATGACATCAC
GTGTCATTTTAAGAGATTTTAGTAACATTGTTTTCTATTCTACCTGACATAAATTCCTTTAAAAATTTGATTATTT
TCATTCATGTTAGGACTTTTCCACCCATTTGTACAGACACAAAAAAAATAGAAAAAGGAAAAGAAGTTTCAT
TACAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3805 D38132|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for glyoxysomal citrate synthase,
complete cds

ATCCTCTAATTGAGGTGGCTGTTGCTTTGGAGAAGGCTGCCCTTTCAGATGAGTATTTTGTCAAGAGGAAATT
ATACCCAAATGTTGACTTTTACTCCGATTAATATACAGGGCTATGGGATTTCCACCCGAGTTTTTCACAGTGC
TGTTTGCAATCCCTCGAATGGCTGGATACTTGGCACATTGGCGAGAATCTCTTGATGATCCTGACACTAAGATA
ATCCGACCTCAACAGGCCTACACTGGGGAATGGCTCCGACATTATATTCCACCCAAAGAACGACTGGGACCAC
TCCAAAGCAGACAGGCTCGGCCAGGTTTCCGTTTCCAATGCCTCGAAGCGCCGATTATCTGGATCACCGGATC
TAGACTATTTGGGATGCATACATACAAATATATGAGAATAAACCAAATGCATCAAAAGGAAGGCAAAGCATA
GGTTTGGCCCAATTACACTGCCTGAATATGAAACAACTAAAATGTTACAGATAAGCCCCCTCCATAAAGAAT
AAAGGTCACTCTATCATTTATTGATAGGGATTGCTATTGGAAGTTATAATTTCCATCATTTTTGGAGAACTTA
CGTTCTATTATTTCTTCTTCCCTTGTAAGGAGTAGTTTTTCTATTATATTATGAAATGAATAGTTATTG
AAGTTTGTTAGTTGCTACGGTGATGTTTTGTTGTGTAGATTCATACATCTGTTTGTGAATGTAGTGAATCGAG
AAATAGGTTTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3806 HM070828|Olea europaea cultivar Leccino S-locus receptor kinase (SRK) mRNA,
partial cds

TCTTGCTTGATATTGACCTAAATCCAAAAATCTCGGATTTTGAATGGCTAGAACGTTTGGAGGGGATCAAAC
CGAAGGAAATACTCAGAGAGTGTTGGAACATATGGGTATATGGCACCAGAATACGCTATAGATGGACAATT
TTCCATTAAGTCGGACGTCTTAGTTTTGAATTCTAATGTTGGAAATCATAAGTGGAGAGAAGAATAGAGGT
TTTTCCGTCCTAACCACGCTCTCAACCTGATTGGACATGCATGGAAATTATGGAATGAAGGAAAACCATTAGA
GTTGATTGATGCAAGTATTGGAGAATCATATGCTTTATCAGAAGTGCTGAGATGCATACATGTTAGTCTTTTGT
GCTTGACAGCAACTACCTGAGGATCGGCCAACCATGTCAAATGTAGTTTTAATGCTAAGTAGTGAGAGCTCATT
GGCACAGCCAAAACAACCAGGTTTCTACATGGAAAGAGATTCTCTGAAGTATTTTCTGTTTCTGGCAAGAAT
GAATCTTCTACTACAAATGAATTAACATTACGCTCTTGGAGGCTAGATAATAAGACTCGATCTACCCTTTTTC
TCCAACCTTCTACCTAACTTTTTCAGTGCTTTATATATTGTTCTTCTTTCATTTCATGTAAAGTGAGTTTTTCAGT
TTTTACTTTGATATAATTGTAAGATCAAAGATCAAAGTTAAATAGATATATATAAATATATATAGCCTTTTAC
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3807 U35620|Nicotiana tabacum ribulose-1,5 biphosphate carboxylase/oxygenase large
subunit N-methyltransferase (rbcmT) mRNA, complete cds

TTACTCATGAAAAGATCAGATCAAATGCCCCCTTATCTTGTCTTGTCTGTTTGTCTCATGTTTTATCACTAC
ACATAAATTATAGATTTGGAATAAAAACTTCAACAAGCGAAAACTCCAACCTATTAGTCATTACGTAGAAATTAA
TACTTCACCTGGTCACCAGCCTTCACAGAAAGTGGGGAGCGGAGAGAGAATAGGACATCCCATGAAAAGAGA
CCTGCCGGTCCTTTAACCTCCCATGCATGTTCTTCTGAGGTTACGTTAGCACTATGGTTGACCAAGTCCGCAA
GGGGATCAAAACAAGTTTTGGCCTCTGAGTCGTGAAAATGCCCTTGATCTGAGTATCCCAAAAGCCCCAAAG
AAGTCATCCAGTGTGATTTGTGATGGAAATAGATCTTTGTGGCGGAGCAATATCTCTTCTCAACCTTGAGAAA

TTCACTCTTAACATATTCTTTTACATTCAAAGTCGTA CTCTCAGAAGTTGGGTTCTTGATCTCTGCAAGCTCCTC
CTCAGACCTGCACAAAACACTGTGGAATCGGTTTCTG GGGGAGAATATCGAGGTAGCGTCGCCAACGAGAG
TCCCCGTTGAGATTTTCTCTAATCAGAAACAGAGCAACAGAAATCCATGGTTTCAACCCACTACACACATTGCC
AATCACGGAATCATTAACGGCGTCGGGATTTATCCAGAATCGTTTAGGAACCTCCAAAACGACCTCGTTCTTG
GATAGGTTTTTAGTGGTGGCCAGTCCGAGGCCTTCGG

>trans_s_3808 NM_001057130|Oryza sativa Japonica Group Os03g0595200 (Os03g0595200)
mRNA, complete cds

TGGTGGTGTTAATTGTTTTCCCTTCCTCTTTCTGGGCTTTAGCGCCCTGTGGCCACTGAAATCGATGATCGTCA
GTGTTCAATGGACCCGTCGTCAGTGCGAAAAGCTCCTCCAGCTGAAGAAGATGAGTGGGACACTGATGGGTT
CGTGATTCCCAGCTTGGGAATAGAAGAGACAGACCAAACTAGAGTTGGCTCTCCAAAAGTAGAAATTGAAGA
ACCTCCCCCAAAGGTTAAAGAAGAGACGACGATTTATCTTGCCCCACATGGCGCGCCACCATCACAGTCGAAA
CAAGATTTGAACCCCACTAATCGTAAGCAACGGTTAAAGCTGAAATTGAAGGAAGCAGACCGGAGGACCACA
ATGGGACGAGAGAATAAGTTGGAATAATACGAGAGCTTGAGGTGCTGGAAAATCAAGCACCAATATGACT
AAGGGTTCTTCTAGGGACTGGCTTGACCCGCACTGCCATGAGGCTGAGTTCGAGAAGTAATGTCCACAGAGA
TCAAAGTATTTTATAAGACAACCTTAAGAAAATTAGCACAGTTTTTGAGATAAAGATCCGATCGGTGTTTTATA
AGTCTATTAACTGTCCTTCGAGACAAATGTTCCCTTCTCTATATTTACATAAAGCTGGGAGTTTATAACTATA
ATAAGTTTTGCATTGGAGCTTTGATGGCATAAATGAAGCAGCTGCTTACAAAGCAGAAGATTTGGTGAAGCTA
ATTCATTGAATAATTATACTCTCCGAACGTCTTATATCTTACA

>trans_s_3809 AL161556|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 56

AATTTGAATGTCCCATGTGTATCGGGTACAGGAACCATTTGAGCTGTAGAAGCGATGAGACCACTGCACTTG
GGGTTATTGGCAGCGGTGGCGGTGGAAGCAGTAGTAACAACGGCGGCAGTCATGGTTACGACAACAATGGA
GACGGCAGCACTGTCAGCAATCCTGGAAATCAAGTAGTACTGCAAATCTCTTTAGCATAAGAAGCCTTTTCAC
TAAGAAAGTGCAATTAACAACCTTGTCTATAAATGAATTTACCGCTTTCACATGTATTATTGTATAGGAATCTCTC
CTAGTCTCAACTTTTTGCATCTCTATGTGTAATTAACCAAAAGTATTAGCCATCTGAGTTCTGACTGTACTTAAT
TAATCAGCTCTGTACAGAGTTTTGTTGGCTTTGCCGTAATCTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAACCCCCCCCCACCCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCAACCCCAAAAGGGGGCCCCCGACCCCAATCCC
CCCAAAAAAAAAACAAAAAACCCCCCCCCCGCCCCCAATTTAAAAAACCAACAGGAAAAAACCCCGGGT
TAACCAAAAAAAAAACCCTTTAAAAAACCCCCCTTCCCCCATGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCCAAA
ACCCCTCCCAAAAAATTCCACCCCCAAAAAGAAAAAAA

>trans_s_3810 AF104396|Cucumis sativus ribosome-like protein (rpo1) mRNA, partial cds

AAGCAACAGATAAGACTGAATTCCAAGCACAGCCATCCATGGCTTCTCTCTCCAGCTTCTTCTCCTTCTTAC
CCTCTAAACCACCGCCCCCAAAACCCACCAGCCCCTCATTGCCTCCTCCCTTCTCGCCGAATCACGCCGCCG
CTCAGTTTCAAACACTGAAATCCAGGGATGGATCGGTTGCCCTAAAGCCCCAACAGGGTCCCAACCATTCGGA
GCCCTTATCCGCGGAATTGGCCTCCGTTATCTGTCCCTCCCTCGCCTTCGCCAACACAATGTTCTTCAGATCCGC
TTATAATGTTGAGGTGATTGTGGATGATAATGAACCCGAGGAGCGCCTTCTCAACAGATTCCGGCGAGAGGTT
ATGAGGGCTGGCGTGATTGAGGAGTGAAGAGACGGAGATTCTTTGAAAACACTCAAGATGTTAGGAAGCGC
AAGACTCGCGAGGCTGCTAAACGCAACCGCCGAGGCGGCCACAGGCAAGATTTACACCACAGAACAAGCA
GGATGTGCCTGCAACCAAGCAAGAAGCTGATGATGACAACCTGGGATTTACCTGAAGAAGAGGACATTCCTTA
TTAACTTGATCCGGAAGTTCGCCCTCACCAAATGTTAATGTTTTCTGATTATCTTTGATTTGGGGAGCTGTT

AATTCTCTGTAATGTAAGTTATTTCCATGTAATATCTTCTTTAGTTAAGAAGTTTTTGCAATATTTCTTTGCAAC
AAATAGAAATGATCATTCTTTTATATATAATACTGA

>trans_s_3811 EF067844|Hordeum vulgare vrs1 locus, complete sequence; and Hox1 gene,
complete cds

ACTTATTGGTCAGGTTCCCTTGTCCTGATGAATTTGTTATTTCGACAGCTCAATCTCTCCTCTTCTTTAACATCCCC
AATCCTTTCTTTTCTCTAACCTCTTCTAAATCTTATAGCTTCACTCCTTTGCTTGCACACTATGAAGGAAAATAT
TCCTTCTCAGCTGCCTTTTCAGTTTTTTTTTGAAGAAAAGGTGGGATAGGATAGTGATAGTTATGACTTTCT
GTGTTCAATTACCTCTTGGTTTTATCATCTTTGTACCTGTCTTGATGGAACTTTCTTACTGGCTTTTGCAAGGTTT
GTTGCCTTCCACGAGATCATTGACCACATGGAGCAGAGCGGTATATAAGAAAACGTAAGGGTGGAGAGTTCA
GGTGATGGTTTCAGTTGCATGTTTGGTTTGCTGTGGAGGTAGTTTGTCAACCATCGAGTTTTCTTCCTAGAAGCC
TTTGTCCAGTTTGTGTTTGTTCATTGTATTTGAAAGCTGTATACTCTCAGAGTCCTACTGTTGGTCGTTGGA
GCCTTTCTTTTCATTTAGTTTCTTTCTTTTCATATCAGTTTGGATGGTAATTTGCATTCACTTTCTGTTTTGAAGG
GCAGTGTTTATTATTATAGTTACAAGAAAGTGAAGCAAATATTGTAATGTTTATGTTATTTTCCAGCTTGTTGG
CTACTTTGTTATGTTATGTTATGTATGAATGGTTTGTGCACTACTGCAGAAGTGAAATCGTACAAGCTTTGCGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3812 Z73939|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB5B

ATCACAAACGATAGCTCTTCAAGATTCCACAACGGTGAAGTTTGAAATATGGGATACTGCTGGGCAAGAGAG
GTATGCTGCATTAGCACTTTACTATAGAGGTGCTGCAGTTGCAGTTATTGTATATGATATAACAAGCTCCG
ATTCCTTTGCCAAAGCACAAATATTGGGTAAAGGAGCTACAGAAGCATGGCAGCCCTGATATCATTTTGGCATT
GGTCGGTAACAAAGCTGATCTTCAAGAGAAAAGGAAAGTATCTGTTTCAGGATGGGACAGAGTATGCAGAGA
AGAATGGAATGTTCTTTATTGAGACATCTGCGAAGACTGCGGATAATATAAATGAGCTGTTTGAGGAGATTGC
GAAGCGGTTGCCACGACCAACTTCCTCATGATCTTGCACGACATGAATAATGTTGTCAACGGCTTATTTTAAAG
GAAACCTGCCTGCTCTCATGTGATTTGTGTATAGTTTGGTGAGTCTGCAGTCGTTGCTTTGTTATTTGATTGA
CTAGTTGATACTTTCAGCCTAAAGTGTAACATTAAACAGATGTGAAAATGGTGAAAGATTCAATCCCTTTTAA
CCATAATCTGCATTTGTAACTATATTTCTGAGACTGACAGAAAGATTATTGGATTTTATTTCTTTTCTTTTA
GACGATGTTCAAATGGGGATGGGAGAAGTTTAACTCTATTTGATATCTTTAAATGCATCATCGAAGGGATCA
AAGAAAGTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3813 Novel Gene

TGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGGAACCAAATGATGGGCGTCTTCTTCGGAAGATGCGACCATG
ATGCGGACCGAAAAGCTTTAAGCTACTGGGGATTAATTTTGGCCTCTGATGGTTCCTTCTCATTTATTTATTTAT
TTATTTATCACTATTATTATTATTACTACTACTGTTTCTCGTGGGACTTGAACCTCTCGACCTCTGAGTAGAT
TTTACATAACTTAGCCAAATCTGGTGATTCTGATGGTTCCTTATTTCAATCATTCTCAAATTCAGTTTTATT
TATGATTTTGAATCCTTTCTAATGTTTGACTTAATAATAATTTTTCAGTAATGTATATTTGCATTGTTGTTTTAA
ATTATTGTTTGGTTCAACAAAGGTTATCTTTTAAATACAAAGAAGAAAGAAGTTTTGGATGTATTATGGGTAT
CGAAGAATTAAGTGAATCAGATTTAGTAGTTGAATTTAGATTTACAATATTGAGTTTGTGTTGATCCATAA
CCAAACACAGATTTTGTAACTCAAGCTTTTCTTTGTCTCTTCTTTGTATATTCTGGACTAATTAAGATAGATG
TATTTAGCCTTTACTTGTACCAGTTTGAAACATTAATGAAGCGATTTTGAACCTCAAATTAGAATGCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3814 NM_001186331|Oryza sativa Japonica Group Os03g0141000 (Os03g0141000)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTGAATAAGCTAAAACTACACTGTTTATGCTAATGGCCAAA
ACCAGAAACTAAGAAACAATTCAATTCCATAAGTTTGGTATCCAAAATTTAGAAGCATAATGAGAAAATTGTA
CTATTCAAGCAGTTCAAAGATCAAACAAAAAAGACTGACGAAACAAGGCCAAAAGTTCAAAGAGGAGAAAA
TTCTAATAGCCGCCCTTGAGATCATTAACCACATCGTATGGAATGGGAGTCACAGTCTCCATTAAAGCACCTTC
AACCATGAACCCTGGTTTGGGGCCTTCCGGTTGCCTCTTGGTGCAAATGACTACACCTTTGGCCTTGGCTTCGG
CCTTCAGCTCGTCATTCTCTGTCTTCTCAAACGGAATTCCTCGGTGCATCGAGAAGGCTGCACGTGCTCGACT
CGGACATGAATTCTCTTCTTAATAATTCTGTTCCACCTGCTTGTTGATCTCGACACCGATGGCGCGCTTTGTA
ACATTCCATACGCGACCTGTGCGACCATGGTAAATTTATGAGGCATACCCTTGTTGGACGGCGCCGTTACCTT
GATATCGACATAATCGCCAATTTTGATGTCCTCAAGTAGGTAGTCAAAGCAATATAACCCTTCTTCTGAAAG
GCCTGGCGAAGAGGTCTCTGGTACGAGATCGAAGTCCATGGCCGGCCGGCATGATTGGAGCAGGATGAAGC
TTTCTCTCACACTCTCTCACACTCTCTCACAAAAT

>trans_s_3815 AY508112|Lycopersicon esculentum cystathionine gamma synthase mRNA,
complete cds

ACAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAAAAAAAGGCGCAACT
TCTCTTTCCGATCTCAAATCACCCACCGTCTCCGATTCCTTTCATCATTTTCTATTCCGCCATGGCTGTTTCTTCT
CACGCTCGACTCCTCTCCCTACATTTGATTCCCGCTCCTCCGATCCTCTTCTTGCTGATGCGGTAGCGCTGGAA
GGTTGCGTTGGAATAATGAGAGTTTGAAGGTAGAGGAGAAGGGTTTAGTTGATTCCAGAACCTCTGTCTTT
GATTCCGATGGGAGTGTTGCAATCCACGCTGGCGAAAGATTTGGTCGTGGTAGAGCTGATGACGCTATTACTA
CTCCGGTGGTTAATACTTCCGCTATTTCTTTAAAAAACTGCTGATCTCATTGATTTCAAGGAGAATTGCGCTG
TGAGTTTCGAGTATGGGCGCTATGGAAATCCAACGACAATTGTTGCGGAGGAGAAGATAAGTGCTTTAGAAG
GGGCTGAATCTACCCTGATTGTGGCCTCAGGGATGTGTGCTAGCACAATGATGTTGCTGGCGTTGGTTCCAGC
TGGAGGGCATATCGTGACGACCACAGATTGCTACAGGAAGACGAGGATTTTTATTGAGACCATGCTTCCTAAA
ATGGGAATCACGGCCACCACCATTGATCCTGCGGATATGAACGCCCTTGAAGTAGCTCTGAAAGAGAACAAT
GTTTCTCTTTTCTTCACTGAATCCCCAACAAATCCATTTTGG

>trans s 3816 AY054492|Arabidopsis thaliana Unknown protein (K19M22.18) mRNA, complete cds

AGCGACACAGAGAGAAGGCCACAACCAAACTAAGAGAGACGCCAATGGCTGTACCAACAGAACTGCGAT
CAGTCGAGCCCTAGATTTCTCTAGGTTATCTTCTTCTTTATCAGAACCTTACCTCCTCTTCGCCCTCAACCTCC
TCTTCCAACCCCAATGCCTCGCCTTCTTCATCTCAAACCAAACGGAGGAAGAAGAAGAAGAACCTCTTCGAAG
TAATTCAGTTTTTGCCCAACTGGGGAGTTGGATACCATGTCGCCAAATCTCACTGGGATGAAATTTCTACCAG
ATCACCAAAATCAATCTCTACAAGAGTGGCACGCACGGCAAGGCATGGGGCATTGCTCATAAAAATGGCATG
CCGATTGTTGAAGCTCCAAAGAAAATCAGCGGAGTTCACAAGCGCTGCTGGAAGTATATCGCTAGCTTGCCAC
GTTTGGGAGAAAGCAAAACATCAGCTGAAGTTCAGACTTCATGACTGCAGAGAAATCTCAGTTGCTGATTCTT
TTTGGCCAACCTTATTTCTGGTTCAAAGAGTTTTGAGGTGTTCTTTTATCGGGGAGCTATATAAAAGTACTC
ATAAAAAGACTATTGCTTGATTAATATGGTTGTGTTAATTGGAATTGCTTTTCAAACCTGTAATTTTGTAAAGATTG
TTTTAGTTGGCAATCCCAATTTTATTTTATCTTTTCGTTTTATGAGTTTGACATATAATCTAGATTTGGTATTTGA
AAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans s 3817 XM 002328070|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAAAGAAAAGGATAAAAAACAACAGAATAATGCCTTCTCCTCCTCCTTTCTTTTCTTTTACCACCGTTCCTCCGC
CGAAGACGCCATTGCCGCCCTCCACTCTGACATCCTTCAAACCTCATATTCTCACCCGTCTCGACGGTGCGGCTTT
AACCTCCACTGCCTCGACCTCTTCACGCTTCCGTCTCTCCAGCGAAGACCAACTCTGGCGCCGTGTTTGCTC
CACCTCGTGGCCGTCCATAACTCATCCGAAACTCCAGCAACTCATCTCCACCTTCCCTTCCAAACACCAATCTTT
CTTCTCCGACGTATTTCTGTCTGGATTGCTGCTACTCCGTTGCGACCTCGACTACCGTTATTCTCAACCGC
AGAATTAATCTCCGCCGTGACATTCAATACAAAAACAACTCCTCTTCTCGAAAGTCCATTCAATCGAAACCG
AAACGAATTGGTTTCTCTGTTCCCTTTCCGCGTCGACCTAATCGATCCAAAGGATTCAATCCATCGCCAATTA
GACGAAGCGAGAAATACGAAGATTGGTTGGGGCATCTAGAGGAAAACCTAACAGTGAGTTGGATAATAATC
GATCCAATAAATAATCGAGCGGCGAACATCTCGAGTAGACAGCCAGTGAAAGTGCGAAGACATTGGTTATCC
GGGGAGATACAAGTCCAATACACGACGGTGATGGGCGGGGATCGGAGAGCCGGGTGGCGGTGGAGATGG
TGGAGTGTGCGGTGGTGGTGAAGTTGTGGGGAGAAGGA

>trans_s_3818 NM_001187473|Oryza sativa Japonica Group Os05g0387600 (Os05g0387600)
mRNA, complete cds

TTTTGTTTTCTTTGTTACATTACAATTTCTCATTGAGCATCGGGATTCCAATCTCTTTCTTCTCTCCTTTTC
TCTTAAATAACCATTTCAATTTCCAATCTTCAGAAGGGTAGCAGAATTTGCAGTTCCGGACCTCAAACCTTTGAA
AAAACCCATCTCTTAAATGCCAAGCAGAATCGGTTTTTCCATCTTCAAAGCTCTGTGATTCCAGAATTCGATTTG
ATGGGTTACCTTTCTTGCCGAGCGGAATCTGCAATTTGACTTTGAATTCGTTAACCCCATCGTCTTCTACCAAT
TCCTCGCATAAATTAGAGAAACCCATTAAGATCCAACAGTTTGATTACAGTGATCTTGAGGCCGCCACTAATG
GGTCTCTGATCAGAAGCTTTTAGGCAAAGGTAGCCATGGATATGTGTATAAAGCTGTTCTTGGTGGTCGTCT
TGTGGCGGTGAAAAAATCCTCTCGAGCTCAGGTTGTTGCTCCTCCTACTCGTCTGCTTGTGCTCTTC
AATGGCTTCTTGTGAAATTACCAATGAAGTGGACAATGAGATCGAGATTTTGTCCAAAATCCAGAGCCCCAGA
TTGGTTAATTTGGTGGGTTTTACAAATGATTCCAAGGATAGGCTTCTGGTGGTTGAATTTATGAGCAATGGTA
CGCTTTGTGATGTGATTCAATCGGGTTCGAGACCTCTTATTGGGGTGAAGGATTGATTAGCTTTACAACT
GCTAAGGCTATTGAACTCTCCATGCTTCA

>trans_s_3819 NM_001064044|Oryza sativa Japonica Group Os06g0320000 (Os06g0320000)
mRNA, complete cds

AGTCATTCCATTGGGGATTTGCTCAAATTCCCACCAAATTCAACTCTTCTATTTCACTCTCGTCCGCAATCTG
AGAAGAAAGAAAATGCCGCTGAAGGTAGTGACGCCACCCTCTCGACTTCAATGCTGTATTCGACAAATTC
GATCACAACCTGCCAAACAATAAAGCTAATTTATCCTCTTTCTAGCCGACAAAGATCCTTCCACCTCTCGCAGCT
GGTGTCTGACTGTGTGAGAGCTGAACCAGTGATCTACAAAAAAGTGAAGCAGCATCAGATGATACTGCAC
TTTTGAGAGCCTATGTTGGAGATAGACCTACATGGAGGAATCCCCAGCATCCATGGAGAGTGGATTGTAGGTT
CAAGCTTACTGGAGTTCCAACGCTGGTTGATGGGAGGAGAACGATAAGATCAGTGGTCGCCTGAAGATCA
TGAAGCTCATGTGGAAAACAAAATTGATGCCCTTATTGCTGGTAAATAATTGTTGGCGTCTGTTGATAAGAC
ATGGGAAGTACCTTTCCCACTTAGTATATTCATCGTTTTCTGTTCTTGAGGAACGTTTATGTGACCTCTGATAG
ATTGGTTGACGATTATATAGTTATCTCATGAATAAAACAACCGGAGAGTTTCAATCACCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAATAAAACCGATTGAATTGAATCGAATTGAACGAAAATCCAGTTTTTACTAAGGGTTCTGTTAA
AAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3820 NM_101949|Arabidopsis thaliana emb1507 (embryo defective 1507); ATP binding /
ATP-dependent helicase/ helicase/ nucleic acid binding / nucleoside-triphosphat> (emb1507) mRNA,
complete cds

TGAAAAAAGTTGATTTCGTAGATTGATTAATCATCAGCGATTTTCATTTCGAAAATCCGAAATGCACAGACCCAC
ATGTCAAAGCAAATGCTTTGCTGCAGGCTCATTTCTCAAGGCAATCTGTTGGTGGTAACTTGGCATTGGATCAA
CGAGAGGTAGTCATTTACGCCAGTAGGTTGCTGCAGGCAATGGTGGATGTCATTTCAAGCAATGGTTGGCTG
AGCCTTGCCCTTCTCGCAATGGAAGTAAGTCAAATGGTAACCCAAGGCTTGTGGGAGCGGGATTCCATGCTTC
TCCAGCCACCACATTTACAAAGGAGCTAGCCAAGAGATGCCAAGAGAACCCTGGAAAGAACATAGAGACAA
TATTTGACCTGGTGGAAATGGAGGACGATGAAAGGCGTGAACTACTTCAGATGTCCGATTTCGCAGTTGCTGG
ATATTGCACGCTTTTGCAATCGGTTCCCAAATATCGATATGGCATATGAGGTACTAGATGGTGAGAATGTTGC
AGCAGGAGAGAACATAAACTGCAGGTTACACTTGAGCGTGATCTTGACGGGAGGACCGAGGTTGGGCCTG
TGGATGCTTTAAGGTATCCCAAAGCCAAAGAAGAAGGCTGGTGGCTTGTTGTTGGCGATACAAAGAGTAACC
AGCTACTAGCGATTAAAGAGTTTCTCTTCAAAGGAAGGCAAAAGTCAAGCTTGATTTCACTGCACCTGCAGA
TACTGGAAAAAATCGTACACCCTTTATTTTCATGTGTGAATCCTACT

>trans_s_3821 NM_123973|Arabidopsis thaliana PTR3 (PEPTIDE TRANSPORTER 3); dipeptide transporter/ transporter/ tripeptide transporter (PTR3) mRNA, complete cds

ACAATTGCATCGAGAGTTGAAACCCATAGACTTAAAGTAGCTAGAGAAAATGGATCACCACAAGTTCTTCCCT
TAACCATCTTCACACTCCTCCCTCAATTCATGCTCATGGGAACAGCAGATGCGTTCATGGAAGTAGCAAAGATT
GAGTTTTTCTATGACCAAGCTCCCGAAACAATGAAGAGCTTAGGCACTTCATTCTCAATGACTTCTCTTGGCAT
TGGCAACTTCCTTAGTACTTTCTTCTTTCAACAGTTTCTCACATCACTATCAAAAATGGGAACGGATGGGTTCT
CAACAACCTCAATCTTCTCATCTTGATTACTACTATGCATTAATTGCTGTTCTTAGTACCATCAACTTCTTTGTTT
TCTTGATCGTCTCCAAATTCTATGTCTATAAAGCCGAAGTTTCCACTTCCATTAAGGTTCTTGCCGATGAACTCA
AGGATAAGAAATTTAAGGGTTGAACGTAACCATCATTGTTTTTACTGACCACCATTATGTTTTTGACGATCAAC
AAATATAGACATAGACATCAAAGTTTTAATGGTGGTCAGTAAGAATATAGGTGCAAGCCAATTAGGTAAGTAT
TTCTTAGTATATATATATACTTAGGAAGTTTACTTTTGTTGTTTTGACATATGTATGTAGTATTTTTCTTCATC
CTTTCATTAAATATTCCAAGGGTGTGTTGTAACATTACTTTTAGATATACAAGGAAAGGGAAGGAATAAGATTT
GAAATTGGATCCTATCGTATTTTGTTG

>trans_s_3822 EU401726|Capsicum annuum chloroplast ferredoxin mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATCTCATCTCCAATCCAACACAAAAACAAGAAGAAAAATGGGCAGCACCCTGCATTACCTCCCCATTTCCGG
CCACCTCCTTCCGTCGGAATCCTACCGGTGGAGTGAGCCTCAAGCCATTTCCAACATGGGTGAGTCTCTG
TTCGGGCTGAAACACCGCGGCGGACGAGTGACGGCGATGGCATAACAATGTGAAGCTCATAACCCCAGAAGG
AGAGAAATCGATTACATGTCCTGATGATGCTTACATTTTAGATGCGGCTGAGGAAAATGGGATTGATCTTCT
TACTCTTGAGAGCAGGGGCTTGTTCTTCATGCATTGGGAAAGTGGTATCAGGGAAATTGGATCAATCTGATC
AGAGTTTTCTTGATGATGATCAAGTAGCTGAAGGTTGGGTTTTAACTTGTTGCTAGGGCTGAGTCTGATGT
TGTAATTGAGACTCACAAGGAGGATGTCTTTGCTGGTTAAACAGAGGAACAAGAAGGGATTAACTTTTTTT
TTTCTTTTATCTTTTCAATCTTTGTTGATGAGAGTAAGCATAATGGACATTGTTTTCTTAGCTTCATGATGATGAT
GATGGGATCTCTTTTTAAGTGTTTGTTGAAAATTGTATCGTTCATCACTGGTTTAAGTTTATTTACATAACTT
GGGTTTTGTTTATCTGTTGTTGGGTTCTTTACTTTCACTTTCTTTTGGCTTCTAAAACGTTAATCATACTGTCTTTTA
GCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3823 AY054680|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g51400; MFG13.11) mRNA, complete cds

GGAGAAAGATTAGCAGAAGGGTCGATTTATATTTGCCCATATGGTTTGATTTCTATAAGTTTGAATATAAATT
GTTTCTTGATTTTATTGATTCTCTTTGCCGGTGGACGATTTTAGATGGGTGATGGGGCTGCGCCTTCTCGGT

ATGTGAAATTGAAGAAAGATCAAGCGCCTTTGGAAGATATCAAACCAGGGGAGCTTAACCAGCCCATTGAAG
TTCCTCAGTTAAATGTAAGAAAGTGTAACGAGTGTGGACAGCCACTACCTGAAAGCTTTGAGCCTCCAGCGGA
TGAACCTTGGACAACTGGGATTTTTGGCTGTGCTGAAGATCCACAAAGTTGCTGGACTGGGCTGTTTTGTCCA
TGTGTTTTGTTTGGCCGAATGTCGAAAGCCTGAGAGACGATGATATGGATTGGACGAGGCCATGTGTTTGTCTC
ATGCTATATTTGTTGAAGGTGGCATTGCCTTGGCGACAGCAACTGCAGCGTTCCATTGCATTGATCCAAACACA
TCATTTCTCATTTGTGAGGGATTATTGTTTACCTGGTGGATGTGTGGCATTACACTGGACTCGTCCGCCAATCT
TTGCAGAAGAAGTATCATCTTAAGAACTCCCCATGTGATCCTTGCATGACACATTGCTGCCTGCATTGGTGTGC
TTTATGCCAAGAACACCGGGAGATGAAAGGACGTCTAGCCGATAACTTTGCGGTGCCCATGACAATAGTTACC
CCCCACCAGTTCAAGAAATGAAGTCAGAAATGATGAT

>trans_s_3824 NM_113899|Arabidopsis thaliana NLI interacting factor (NIF) family protein
(AT3G29760) mRNA, complete cds

ACAGTGATGATACATCATTAGGGCCTGGTGGTGATCTTCGTAATTATTTGGAGGGTGTTTACGCGGCAGAAAA
TGTTCAAAAATATGTTGAACAGAATCCATTTGGTCAAAAACCCATATCTGAATCTAGTCCATCTTGAAATTCT
ACCGTAAGATTATAGAGAGTGAGCAGGAAAGATGATGTAGGTGTTTCATTGGCTCACATATGAAGTCCGCTCT
AACTTCCCAAGTAAATGTAGCTTTTATGATCTGGAATCGTTTCTGCGACACGATTCCACATGCTGGTGATTAG
TTCTCATGAAGGACGTGGCCATATATTTAAAAATTGGTTCACATGATTATTTGCTATATAGTAGTTCATCCTCTG
CCATAGTTGGATAACCGTTGCTTAGCTTTCAAGATTAGAGAGAGCCAGACCTTTGATCCCTTCTATAAACTTCA
TTAGTTTTATGTTTCTTTGTGGCCAATTTGTCAACTAATCCGGTGAGTACAGATTACCGTTTTTCTTAATGATA
TTTACTTTTAGTTGTACATTACGAGCACACACAGAGTTTTTACTTGCTAGAAATACGTAAGTAAAGAAATTGAGTTT
ACTCTAGTCAAAATGTTGCATTGTATTTGTAATTTGTATAACGTTTACGGCTTGCAGATTGAAATTTGTTTCTG
ACGAGGGATGGAAGATTCAAAGCAATGATCTGACAATGTAATTTCAATTCATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3825 BT004737|Arabidopsis thaliana At5g24165 gene, complete cds

GAATTTGGGCAAAAATAAACAAATAGGATTGGTGAAACCTGAGATGGAAGCATTAGAAATTTAGAAAGAAAA
GTGAAATTGAAGAGAGTTGGAGGAAAGAGTAAAGCAGAGGAGGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAA
GAAGAAAATGGGAGTAGAAGGGCATGTTTTGAAGCGAATTCCACGGATTAAGTTCCCTGATAGACACCCGAA
ATCATCCTTACCTTCAGGTTCTGCTCTCCAGTCTCAGCACAACTCCGATAAGGACATTGGCTACTATGCACTTTC
AGGTTCCAATGTGCCAGCACACCCCAAACACGGCTGTGGGTGGTAAAGCATCGCTCCTGCCGAAGCGTAC
GCCTGTCTCGGACAGAGAGATTGAGGCTATACTGTTGGGTGGATGCTTTTGATGTTTCCCATCCGATGTCATG
GAAGGATAGCATAGCGATTATTCAGTATCGGGTTCGTTATCCTTGTTATCCAATAACATTGTTCTAAACATTT
GTTGCAAACTTCTGCATTACCTGAAAAGATATCAGAATCATCTTGATTCGATTCCTTCTTGATGAGACTGTT
AAACCTTGCACTGGGTGCGAAACCCAAGCAGAGACGCCTTCTGCTTCTTCTTGCTCCTCTTAGATTGTATC
CATCAACGACCCCTACAAGGAATATGAAATGAAAAAAATGGAATGTTCTTAAAAACATATAAGAACTTGGC
CATTGTGATTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3826 NM_001064261|Oryza sativa Japonica Group Os06g0507400 (Os06g0507400)
mRNA, complete cds

ACTTCATCCTGAAGTGGGCTAGAACACAGTATCCAAAGTTGGAGGAGAGACGAGAAGTGTTAGGGGCTAGA
CTTGCTCGTTATATTCGATCCCCCTTATGACATGTCGAAAGCTTAAGAAAGTTCTGACTTGCAATGACTTTGAT
CATGATGTTGCTTGCAAACTTGTGCTTGAGGCCCTTTTTTTAAGGCAGAGGCTCCTCACCGGCAGAGAATTTT
AGCTGCTGATGAGGCATCTACCTCAAACCGCCGCTTCTTATCGAGAGAGCTTATAAATATCGTCCAGTCAAG
GTTGTTGAGTTCGATCGTCTCGGCAGTAGTGTGTGGTATACCTGGACCTAAAGCGGGAAGAGTGCGCAAAT

TTGTTTCCGTCGGGTAGAGTGTATTCTCAGGCATTCCACTTGGGTGGATAAGGGTTTTTTCTTTCGGCTCACT
GCAACATGGATCAGCAAAGCTCATTCCATTGTTTTGGGCTTTTCTTGGGAATGCAGGAAAAAGGATCAGTATC
TTTTGCAGTTGACTATGAATTTGCTGCAAGATAAAAGCCAACGGAGGAGTTCGGAAGCAAATATAAGGGCAA
TTACACGTTCACTGGAGGCAAGGCAAGTTGGGTAAAGAAACTTGATACAATACCATGGACTTCTTTCATGGC
GGAAGACAGTCACTACTTTATTAATGGAGTCCTCATCTTAGAGCTGAACTTACCATCAGGAGCTGAACTTTCA
TTGACCACGATAAGTTTGATTGTTTTGTTTCTAAAAAGTA

>trans_s_3827 NM_001055095 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0822500 (Os02g0822500)
mRNA, complete cds

AGGATCCTTTGAGGATGACATATCGACCTACCCACAGGGCCTTGTCTTAGTTCCTCGCACAGATGATAATAGT
GTTGTTGTTGGCCCCACATCAGAGGCAGCCGTTTGCGAGCATCATCTGCTACTGGGGACGAGGAGGTGGAT
CTTCTGTTGCCGGTACTGCAAGACTCCAAATCCAACTAGGAGTGAACATGCCTGCAAGAGCAGAGCAAATTC
CAGGGAAAGAAGAAAAGCAGATGTTCCACGAGGCTTACGATGTCGTTCTATATCTGGGTATCATCGACATTCT
ACAAGAGTACAATATGAGCAAGAAGATCGAACATGCATACAAATCCATTCAATTTGATTCAATTGTCCATTCTG
CTGTGGATCCTACCTTCTATTCCAAACGTTTTCTTGAGTTCATTATTTCAAGAGTGTTCCCTCAAAATGCCCCGG
CAAGTTGAGAAATTTGGCTCCATAATGGCATATTCTTACGAATCAGTTTCTCCTCCGGAAGTTTCTACTGCAA
GAGATGGAATTATAAAAGGATTGAAGACCGGAGAGCCTTCGTTTTGGAATTGTGGAGAGGGGGGCTGGGTG
ACAAATGGCGATGAGAGAGACCCAGGTTGTGCAAGTGCTTTACAATTCTCAGGCGTTTTCTGTAGATTATTTT
CACACTCTTTCCACGTCCTAACATAAACTTTGCAGTTTTCTCGTAGAGAGCTAATTTATACTTCCATTCATGT
TGAGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3828 NM_001074166 | *Oryza sativa* Japonica Group Os11g0256200 (Os11g0256200)
mRNA, complete cds

CAGAAAGAAAAACCCTAAACCCTTTGTTCCCTCTCTCCGTTTTAGCGGATTTTCTCTGTTTTGGGTAATTTGGA
AGGAAGAAGATGAATCACATAGCAGCCATGGAAGAACAAGTAGTTTCTGAGAGAATGAGGCAGAAGCTTAA
CGAAGTTAACGCGGCTGCACAATCTCATCTTGGTCCTATTCAAGACCATGTCAACTTCTCCCTCAGCAAGCGT
ATTTCAAATGTGCATATGAGTGTTTCGATAGAAGAAGAAGGCAGGAAGAGATTAGTAACTGTGTTGAGAATT
GTAGTGTTCCAGTTGTTAAAGCTCAGCAACATGTTGAGAATGAAATGTCTAAGTTTCAAGAAAGATTGAACAG
ATCACTAATGGTGTGTGTCAGGACAAGTTGGAAGCAGCCAGGCTACAGCAGAAAACCTGGGAGTGTATATGATTT
GGAGTCGTGTGTGGATGCATCAATACAAGAAAGCTTGAATACACTGCCACATCTTGCTAACAATTAAGAGCT
TCCTTCAATATTGGCAACTAACGCATTTTCCATTATTGCTTCAAGAGGCAGCTGAGTATAATAAAATCATTGCTT
ATTTTGCTACAACCTATTTTCCAAATTTCTTTATTTGTAAGTCTAATTCTTTAGGAATGTCATGGATTCTTGCTA
AGTTGATCCCTGAAACTTGAAATTTTCAACACTCTGACCCATTTATTGATATGATAGAATATAAGAATGAGT
TGTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3829 BT006255 | *Arabidopsis thaliana* At5g55710 mRNA, complete cds

ACGATTGGATTTCAAAATCCATTTCTTCACAACCTCAATGGCGTTTCTTATCTTAAATCTCTCTCCAAAACCCTC
CATTCTTCTTCTTCCCCTCCCCATTTCCCGCTCTCTCAAACCCCAAAACAACCACCCTCAATTTACCACCACTCT
GCGACGGCGAGGGCGAGGGCGACGACGCATATTCACCGTCCGATCCACTGGCGACAACAACAACACTCTGC
CGATGGCCCCGACCGCCTCATCTCCGCCATCTGCTACTTCTACCCCTTCTTCGACGGCGTCCAGTACGGCAAGT
ACGTTATCACTCAGTACACTCCATTTCAGGTTCTGATTCAACCTTTAGTTCCGGCAATTCGTGTTTTCAAGAGCT
TTCCGTTGAATAGCTTTTTGGTGTTTTAACTCTTACTTCGCCGTGGTTAGAAACCCTAATTTCAGTCGGTATG
TTAGATTCAATATTATGCAAGCCATTGTTCTCGATGTGCTTCTGATTTTCCCGATCTTTTGGAGAGGAGCTTTA
ATCCTAGAGGGGGAATAGGGTTGGATTAGTGATGAGTTTGGATAGTACTGTGTTCTTGTCTTTTGATTGT

TTGATTTATGGGTCTTCTTCTTGCTTGGTGGGTCAAATCCCTCGATTGCCATTGTTGCTGATGCTGCTGATAGA
CAAGTTATGTGAATTTTTTTTTCTTCACTTCTTTGAAAATGAATCAGTTTAACTATTGTTCTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3830 XM_002866440|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata BCL-2-associated athanogene 7
(ATBAG7), mRNA

CCACCATTTTCAGACCTCTCCACAAAAACCAAACCTTTCCCTTCTCCAAAGTGCAGATCTATCACTTTCAATTCAA
ACCCATTTTCCCTTCTCCTCCATTAGCCTTCTTCCACCTTCAAACCATGAGCAGGTTTCAGCAGATTTCAGTAGATT
CCAGTCCATTGACCCCTACTACCCCACTGTCCTTCTTCTTACCGATGCCGAAACCTCCATTATCCTCCCCAAA
CCTCTCTCATTTCCCTTCCAATCCTTCGTCGAGGAAGTTGATGATTTTCGATTTGCGCTTTGACCTCTTATCCCATC
GTCCTCTTCCACCTCCCCCTTCCACGTCTTCGATTCTTACCGATCTGGTTCGTATCGACGAAACGCCGTCGT
TTTCGTCTTATAGTCGGATTTCGGAGAGTTGAGCGATCGAGTGATGAGGTTTTGTTGCGGAGGCTTAGCGATCG
AGTTAGTGAGCTCGAGGCGCGGTTTGATCGGCTGAGTAGTGCGAGGGTTAGTGGGTATGGCGATCGGAAGT
ACACTTGGACGAAGGAAATCAAAGGAGTGGAGAAGAATGGTGTGATCGGAAGTATAAGTTGGTAGCTGAG
ATTAAGATGGGAAGAAGAACAAGGAGGGGAAGAATGGTGGGGTTTTGCAGAACTACAAGTGGAGTGCTG
AGATTAAGGGAAAGGATGAGAGGGATCCGATTAGGAAGTACACTGTGGAGGTTTCGAGTGGAAATGGAAGT
GAGAGTACAGAGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3831 Z28373|N.tabacum mRNA for pyruvate kinase (plastid isozyme)

TCAGCCAAAGCCACTTAGGTACAGTAGTCTTAAAGTTAGGCAGACCAGTGGGAAATTCAGCAATGGCGCAGC
AGATCATCGTCGTTCCAACCTCCATGGTTATGTAACCATCAAACCATCACCATTTTTATGCTGTCTATAACTCTGA
AAGAATGCTGCATCCTCTTCGATGGATGACCAAGTTTCGACCTCATCTGAATTTCCCAACACCTCGAACAGGTT
CGGACAACCTCTCACTTCATTTATTGAAAAGGAGAAAACCTTTTTCTAAATGGCATCATTTCTGTTACTCTTCTCT
GAAGAATTACCGAAGGGGGTCGGAATTTTCTCTATAGCCTGCAATGAGAGGAATAATGAGGAATGAAAATGT
TGGCTCTGTAGCACATGAATGAAATGCGGATATTCTGCCAAAGGCTTCGTGGGCTCAGTGATGAACAACTCAA
GAGAAATGATAGATGATGATCAGGTTTGTAGATGATACTTATAAGATATAGCTATTTGTATTCCATTTCTCTTC
ACTCATTGATTAAGCATAGGCATATGGGGATTAGAAATAGTGCAATTTGTTAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTG
TTGTGTAATTCTTTAATATTAACACATCTATGTAATCCAACCTCTTGCTCATCATAATTTAGGGAGGAAGAAGA
AATTTGATTATAAAGTAAAAATGGCATCTACCCATTTCATGAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3832 NM_122523|Arabidopsis thaliana ChaC-like family protein (AT5G26220) mRNA,
complete cds

AGACTCATAACACAGTGGCAGAGAGAAACGCCATACCCTTTCTTCTCTTCGGCTAAACGTAATTCCGTTTAGCT
CTTTTTTCGTTTCTTTCTTGCTTGCTTCTCCAACCTTCCGTCTCTTCTCTCTGATTTTCTCTCTCTCGATCGGA
TCACAGGAATTCTCCGCTTAAATTCGTCGGAGTTCTTGGCATCATCAATTGAATCATGGTTCTTTGGGTTTTTG
GCTATGGATCTCTCGTATGGAATCCAGGATTTGATTTTCGATGAGAAAGTGATAGGTTTCATTAGAGATTATAG
ACGTGTGTTTGATCTTGCTTGATTGATCATAGAGGTACACCTGAAAATCCTGCTAGAACTCTCACGCTAGAAC
CCAAAGAAGGATCAATTTGCTGGGGTGCTGCATTTGCATCCGTGGAGGTCCTGAAAGAGAGAGAGAGGCCA
TGGAGTATCTGGAGAAGAGAGAGTGCAGTACGATCAAAAAACCATCGTAGAGTTCTACAAGGATGAAGACT
CCATGGAACCCACATTGACAGGAGTTTTAGTTTTACATCTACATTTGATAAAGTGCTAAACAAATACTATCTA
GGACCTGCTCCCTTGAGCAAATGGCTAGCCAAATTGCAACTGCATCTGGTCCATGTGGGAACAATAGAGACT
ATCTATTCCGTTTGAAAAGGCCTTGTTTGATATTGGCCACGAAGACGATATGGTGATTGAGCTGGCAAACGA
AGTGAGGAATATCCTTGGGAAAGGTGGGAAGGGG

>trans_s_3833 EU676040|Zea mays cultivar H21 SnRK2.8 mRNA, complete cds

ATCATCATCATTTTCATCATCTTCTTCTTCCCCACTAAAATTTGTAGTTAAAAAGAAAAATCTGTCCTATTCCCAAT
GCTGAGAAGAAGTTTTTTGGAGCTAAAAGAAAAACACAGAAATAGAAAGAGAGACAGAGAGAGAGAGAGAG
AGAGAGAAAATTTCAATTCGATTCACGAGCTCTGATCATCATCATCAATCAATCGATCAATCTATCCACCG
CCTCTTTTCAGAAACCCTAGAAACCCCGATTTGATTTTTACTTCAAGTAGACAGATGATAAAGGAATTTCTCAG
TGTGTGATTTTATAAATAAACTTCTCTCCGTTGCTTTGCTGATAAATTAAAGGCAGTGAAGTTTGGTAACTTTT
ACGTGCTCTGTTCTTTCCCTTTCCCATTCCTCATTTCACTGGCTCTCCTCGCGCCACAACATCAATCATTTTCTT
CTTCCTTCTCGATTTTCTTTTCTTTGCGTACTGCTTCGGGAACCTTTTCCACGAAGCGGATTCATATAATTC
TCAGAACAAATGGATCGCTCCGCACTTACTGTTGGACCAGGAATGGACATTCCCATCATGCACGATAGCGATC
GTTATGAGCTTGTGCGCGACATTGGCTCTGGAACTTCGGTATTGCTAGATTGATGAGGGATAAGCAAATGG
AGAGCTCGTGGCCGTCAAGTACATCGAGAGAGGTGAGAAGATAGATGCAAATGTGAAGCGAGAGATAATAA
ACCACAGATCTTTAAGGCATCCTAACATTGTC

>trans_s_3834 NM_001057966|Oryza sativa Japonica Group Os03g0775500 (Os03g0775500)
mRNA, complete cds

AGGATACCCACTAGTCTGTCATTAGAAGTTCACCGAAACACCAAGAAGGAAGAAAAAGAAGAAGAAGAAGA
TGACGCTGGGGCTTATCAATGCGAATCCGGTGGTTACGCCAAGAAGGAGCGGATCGCTCGCTCGGAAGACT
TCCACGGTGACGACGCTGTTGATCCTCTTGAAATCTACGACTTCGTGAGGGATATTAGAGATCCGGAGCATCC
GTATTCGTTAGAGCAGCTTAGTGTTCTCTCGGAGGAATCGATCACTGTGATGAGAAGTTAGGGCGTATCCTG
ATAACTTTTACTCCGACTATTACGATTGTAGTATGGCGACTGTGATTGGACTCTGTCTGAGAGTGAAACTTAA
ACATTTCTTCTCCACATTACAAGGTTGACATCAAAGTGTCTCCAGGATCACACGCAAATGAAGACTCAGTTA
ATAAGCAGCTAAATGACAAAGAAAGAGTTGCAGCTGCAATGGAAAATCCAAATCTGCGTCAGCTTGTAGATG
AATGCCTTTATTCCAGTGAGCTCTGAATCAAATCAATTATCATCGTCCAACGGGCCAAAATGAAGTTCAATACA
CTATTGGGTACTTCAATTTTGATCCAAACAAACCATCTTCTCATCAAATGGGGAGGTACATGAGTTAATATACC
TATCCATTTATTTGCTATTTCTCCCTGTATATGTGAATGAACTTATCTGAATTACTAATATATTATAGTTTAACGT
TTCTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3835 BT010634|Arabidopsis thaliana At5g38700 gene, complete cds

ACCAAAATTA AAACTCCAACTCTCTACTTTTACTTCCCCACCTCCCTTCTTCACACATCAAAATTAATCATTTTTC
AACTCTCTTCAAATGCAAAACAAACGACACACCAATGTGGGTCGTAGAGCATGGAATCTTCTACGTTTAGCA
ATGATCTGGGCAAGAAAAGGTGGAGTTTTCAAGCGAAGGTTTCTCATGGATCTCCGCCTTGTCCTAAGTTCA
TTAAGAGTCTCGGTCACTCCACCCCTCGTGGTCGCCACCTACATTATGGCGATCATGAGCTTTCCTTCGATGAA
ACCCCGTTTTTTCATGTCAAGATGCATCGTCTGCCTCACTGCGCTTTCATTCCCCTGCATTACTCCCCAAGCG
GTTGACTTCAAATATGAGTTTGACGCCAATGCTGATGACGACGACGACGACGACGACGATGATGATGTTAGT
GAAGTTTGTAGTTCTGATGACGAGCGGAGGAGTTCGGGATATGACGGTGGAGAGGAACGAGAGGATGATGA
TGAAGAAAATGGGATTGATTTGAGAGCTGAGAAGTTTATAGCTGAGTTTATGAACAAATGAAAATGCAAAG
ACAGATTTTCATTTTCGCAATATGACAAAAATCGACTTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
AGTTTTGAGAGTTTTGTTTCATAAATATGTATACGATAAGATTTCGTTTGATAAAGTTTTTGGGTCTTTTCTTCTT
TTTTTTGGTTTTGTAAATAGAGGAAGTTTCGAGT

>trans_s_3836 NM_148455|Arabidopsis thaliana ATPP2-A10 (PHLOEM PROTEIN 2-A10) (ATPP2-
A10) mRNA, complete cds

GGGGGTGAGGGTGAGAAATAAGAGTTTTACCTTGTTGGAACAGAAGAAAGAAACAAACAATCCACAAA
CAATGCCTGTAGAAAAGACTCCAAGTGAAGATGATGAATTGAAGACCGATGAATCGAAGACTGTAACAATAT
CACTACGAGACCTGAAAATAGCATGGGGATCTGATGACACTCAGTGGAAAATTGGGAATCCAAACGATGAGA
AAGAGTGCTATGCAGAAGCAATCAACGTGACATGGCTTGAAGTAAAAGCAATATATAGGGGGGCAAAACCA
GGGAGCAAATATAAGATTGGGTTCAAGATCAGCCTAACTTCTGAACCGTTGGTTGGGATAGCAGTCCAGTG
TTCATGATGGCTAAGTTGGAGAATCAGGATCCTACATTTGGAAGAGGCTTTATTTGACATCAACAACGCCG
GGAAGCCGCCTACCGACTTTCCAGCAACTTCTCGATCAGTGTTCAGTCTCAGCCCAGGACACCACCTGTTT
TTTGGCCTTTACGAAATTTGGGGTGGCAGATGGAAGAAAGGCTTGCGCATTATCATGCCTTTGTTACCAAAA
TTTGATCCACCTCCTCTCTTTCTTAATTACACTATATATAAACTTCACACTACTCTCTATTTCTCTATGTGTGACAC
CACTGTTTTCTTTTTCTTTCCCTCTTTGAACATTGCAGTTGTATGTTCCCATCTAAATAATCCATACAATCTCATT
TAAACTTCACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3837 EU368720|Oryza sativa Indica Group SKIP interacting protein 30 (SIP30) mRNA,
partial cds

AGAAGAAACCCTACTAGGGTTTTTATTTCCACCCAATCCAATTGACGGGATGATAATCCCCTAATTCCCATCCC
CTCAATTTCTGATTACCTTCGTAATCCATTTTCCGTCGGATTCTCCTCTCCCGAAGATTATGTCTGGAAG
AAATCGAGGACCGCCATCCCGCTAAATGGTCTGCCTCATGGTAGACTACCACAGTTCGTGAACCTCCTTTTG
CTAGAGGTCTTGGGCCATTGCCACATCCAGTGCTTCTTGAGGAAATCAGGGAATCACAGTATGGGATGCATCC
AGGGTCTCTTCTCCACACCCTGCAATAATCGAGGAGCGTCTTGCTGCCCCAACATCAAGATATTCAAGGTCTTC
TTCTTGACAACCAGAGGCTAGCTGCAACCCATGTTGCGCTTAAGCAAGAACTAGAAGCAGCCCAGCATGAGTT
GCAACGCATGGCTCATGTTGCCGATTCTTACATGCAGAGAGGGACATTCAAATGAGAGAATTATATGAAAA
GTCAGTAAGACTAGAGGTTGATATGCGAGGAGTTGAGACTATGCGAGCAGAGCTTCTTCAAGTTCATTCTGAT
GTCAAGGAATTAAGTCTGCAAGGCAGGAGCTTAATGGGCAAGTACAAGCAATGACACAAGATCTAACTAGA
ATCACTGCAGATTTGCAGCAGGTCCCTGCTTTGAGGGTAGAAATTGAACTGTGAAGCAGGAATTACATCGTG
CAAGAGTTGNCATTGAGTATGAAAAGAAGGGATATGC

>trans_s_3838 NM_118796|Arabidopsis thaliana sucrose-related (AT4G26620) mRNA, complete
cds

AAAGGGAAGATTGTAGATGAACTTTGGAGGGGCCAGATGGGTTTATCAGAGGAAGAACAGATGCTAAGCCT
TGAAGTGAAGTTCGTGCAATCAGTGGGACTAATGGCCACAAAAGCAAGGAAGAGCTGGCACAAATCGAGAC
CAACGATTCAAACCTCTGATCCCTATAGATCTCGGGCTGAGGTTGCAGCCTGCTGTCAAGGAGATGGAGATGGT
TATTCCTCTTGCTGTCAGAATCCAAACTATCAAGAACAGTAATTGATTACAGATACAGACAACATTTCTCCAAA
TGTTGTTACTGCCAAGGGCAACAGAAAATACTTACGAAGCAATAGCAGCAAATCATTTTCCCGTAAGGTT
TGCGCAATGCCAATGAGCTCGAGAGCTGGGAGCGTGAAGACACATATGCCGTTGCTGCTGTTATCTGTGCTG
CTGTTTCAGTTGCCTTCGCTTATCGGTGCTACAAGCAGCTGTAACAATGTAGTTTGTGAGAAGAAGCTTCAGTC
CAGATTTTAAATTGTGCTTGTGTTGACGTGATTTCCGTTGGTAGATGAGCGAAAGATATAAGAATTTAGGAT
AATATTTCTTTTCTGCGAATCTTACAACTCTTGAACTTTAAATGGAGTTGGAGTGGAATTAGATTGAGTTC
TTTCTGTGTAAATTGAGTTCTATAGCAGTACTTAAATAATGATACGAATGGCACTTGGAGCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3839 AY103614|Zea mays PCO151328 mRNA sequence

AAACTTTGTGGAGCCGACAATTGTGGAATTTCTCAAATGCCAATGTTGTTAAGGAAGAATTATTTGCTCCAG
TTCTTTATGTCATGAAGTTTAAGACTTTGAAAGAGGCAATTGAAATTAACAACCTCTGTTCCGCAAGGGTTGAGC
AGTTCTATCTTCACGCGTCGACCTGAGATCATCTCAAGTGGACTGGGCCACATGGGAGTGACTGTGGTATTG

TAAATGTAAACATACCAACAAATGGAGCCGAAATCGGTGGTGCTTTTGGAGGAGAAAAAGCCACTGGAGGTG
GTCGTGAAGCAGGAAGTGACTCGTGGAAGCAATACATGCGACGCTCAACTGCACCATCAACTATGGGAATG
AGTTACCATTAGCACAAGGAATCAATTTTGGATAGAAGAAGGGGTGTTGTTTTCAGCCTCCTTGTTCCAGCTTT
GTTGACTGAGATGTGATTTGCCTTTTGAAAGGGAATTTCTGCCAACTAAGAGAGGGAGTTCCCTTCACAATCT
GGCTGTCTCCATCTTAAATAATAAAAAAGAAATGTCTTCATAGGATAAAATAAATAGTGAGATTTAGTTGTTG
AAGACTTGAAGTTGATAACTAATGACTTGTCAATTAATGGCATTTCACAAAGAATAATATGAATTATTTTGG
TTTAGTATCTGATTCAATAATGTGAATTCTCTATTCCATTCCCTTGAAAAAAAAAAAACTGAAAAAACAAAAT
ACAACAAAATTCATACAACGAACGTAAACAAGCTAT

>trans_s_3840 AF262997|Ricinus communis NADP-dependent malic protein mRNA, complete cds;
nuclear gene for leucoplast product

AACCCTACGTCGCAATCTGAGTGTACAGCTGAAGAAGCTTATACATGGAGCCAGGGCCGAGCAATCTTTGCCA
GCGGAAGTCCATTTGACCCTGTTGAATATGATGGAAAAGCTTTTGTGCCTGGCCAGGCAAACAATGCTTACAT
ATTCCCTGGATTTGGCTTGGGTCTGATCATGTCGGGTACAATTCGTGTGCATGATGACATGCTCTTGGCAGCTT
CGGAGGCTCTGGCTGCCAAGTGAGTCAGGAAAATATGATAAGGGTTTGATTTACCCTCCTTTTACCAACAT
CAGAAAGATATCTGCTAACATTGCTGCCGAAGTTGCTGCTAAGGCTTATGAACTTGGTCTGGCTTCTCGTCTTC
CTCGACCAAAGGATCTCGTAAATTTGCCGAGAGCTGCATGTACAGCCCCGCTACCGTAGCTACCTTTAAGC
GAATATTGTAGTTTCAGTCCACCAAAAATTTCCATCATTTTTTTGTTTTGTGTAATTTGTTGTTTTAGTCCTGGC
ATTAGCATAGGACATGCCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTTTGTTACTTTTCTCTTTATCTTATTGTTGTG
TTTCTGAAGTTGTTTATCTCTTATGTAACATTCATTTGTTATTAGATTGAGTAAAATGCATTAGGCATTTTCAAT
AAATGAAATTATTTGTGAAAAAAGTAATAAAGAATAAAGCAGCTATTGACTGCTTGATCTGATGTGACCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3841 AY197749|Solanum tuberosum UDP-glucose 4-epimerase (StUGE45) mRNA,
complete cds

TCTTCTTCAGCCATTTCAATACTCTCTTCTTCTTCTTCACTTGTATGCTTATGGCGAAATCTATTCTTGTT
ACCGGCGGTGCTGGCTACATTGGAAGCCACACTGTTCTTCAGCTCCTTCTCGGCGGTTACCGGACCGTCATCG
TTGATAATTTGGACAATTCCTCTGAAATTGCTGTTCTGTCGAGTCAAGGAGCTCGCCGGCGATCTTGCAAAAA
TCTTCTTTCATAAGCTGGACCTCAGGGACAAACGGGCTTTGGAGAAGGTGTTTGCTTCAACACCATTTGAG
GCTGTTATTCACTTTGCTGGTCTGAAAGCAGTTGGTGAAAGTGACAGAAACCATTACTTTACTATGACAACAA
CTTGGTTGGAACAATTACTTTATTGGAAGTCATGGCGGCCCATGGGTGTAAAAAGCTTGTGTTCTCATCTTCAG
CCACCGTATATGGTTGGCCGAAGGAGGTACCATGTACAGAAGAGTTTCCCCTTCTGCAGCAAACCCATATGG
ACGAACCAAGCTTTTCATAGAAGAAATCTGCCGTGACATATACAGTTCAGACTCTGAATGGAAAATCATATTG
CTAAGATATTTCAATCCAGTGGGTGCCACCCGAGTGGCTATATTGGTGAGGATCCCCGTGGAATCCCAAACA
ACCTCATGCCCTTTGTACAGCAAGTTGCTGTGCGCAGGCGTCCTGCCTTGACAGTCTTTGGAAGTACTATTCA
ACAAAAGATGGAACCGGAGTACGTGATTATATT

>trans_s_3842 NM_101238|Arabidopsis thaliana ATE1; nucleic acid binding / nucleotide binding
(ATE1) mRNA, complete cds

AAGACGAAGAAAACACATTCACAAACGCCTCTAATGGCGCAGGCCGTTGAGAAGAACTCTATACGTGGT
GGTTTAGCGGAGGAGGTGAACGAATCTATTCTTACGCGAGCTTCATTCCCTTCGGCGACATCAAAGACGTCA
AGACGCCATTGGATCAAGCCACACAGAAGCACCGTTCCTTCGGTTTCGTCACCTTCTTGAAAAAGGAAGATGC
ATCCGCTGCTATGGATAATATGGACGGAGCTGAGCTTTATGGTCGCGTGCTTACTGTAACTATGCCCTCCCTG
AGCGTATCAAGGGTGGTGAACAAGGATGGGCCGCTCAACCTATTTGGGCGGATGCGGATACGTGGTTTGAAA

GGCAGCAACAAGAGGAGGAAATGCAGCGTCTTCAAGCTGAGAATCGAGCAGCTATGGAGGCTGCGGAGGA
GCTGCACAGGAAGAACTAGCGCAGGAACGAGAAGGGGAGAAAGACGAGGAGGTAGACACCAAGGACGAT
CCCATGGCCAAGGCTGAAGCTGAGGTCTTAAACAGAAGAGTTGAAAAGAAAACTACCATTCTCTGAGGTT
CCTCTTACAATGATATTCTCCTTCTGTTCCCTATAGTTAATTCCATTACAAAGTATAGTTTGATAAGCTGAAA
AATATTCACCTTTCATGAAAATTTGTAATCTTATTGAAAAAAAAAACCTTAGAAAGTAGGAGTTTTTAAATC
TGACAGCACTGTTGTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3843 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

AGATTTACAATTTGTGATTTTTTTTAGGTGAAGCGAAATCGATTTCGAGAGATTGGTTATGGCATTGTAAAT
ATGGGATTGTGAACCTGGGAACCTTCTCAGAAATTGAACTTGGAACATCAACAGTGGAACAAAAGGGTCGGA
TTTTGGTGAACCTGGGGATACATTTCTTAAAGCGAACTTTCTTTTCGAGTTCGTGGCTTATCAAAATCGGTTGT
CGTTTTGGGATGTTGAATTACGACATTTGGATTCTTGATTGGTAGTATATGAAGATGGAGTTTGTGCATTACC
TGGTTAATGTGTTGGTAATTGAGGAGGTAGCTTTAAGTGAAATTTATAGAAAGTAGATGGCAACTTCGAGTGA
GAGATGGATCGATAGACTTCAATTATCCTCTTTGTTTTGGCCTCCCCCAGATGATGACCAGCAAAGAAAGGTTT
AGTGTCTGTCATATGTTGAGTACTTGGGTCAGTTTACATCAGAACGATTCTCAGAAGACATTGCTGAGCTGATT
CGGATCCGTTTCCAATCGAAGGAAAAGCGCCTGTTTGATGATGTTTTAGCTTTGTTTGTCTTCATCATCCCGA
GAATGGGCATGCTATTATTCTCCAATAATTTCTGTATAATCAATGGCGCCTGGAATATAACAGAAACGATC
CTCCATTTGCGTCTTTTATATCCTTATTCTGCCCTGGCATTGAGAACGATTATTCTGAACAATGGGCCCTTGCAT
GTGGGGAGATTCTGCGGATCTTGACTCATTA

>trans_s_3844 XM_002300518|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA904), mRNA

AATCAGAATTACCCACACCAAATGAAAAACCGCGGGATGCGGGGGCCGTGAACGACAAGTTGGGAAACACT
GTTAGCAGCATCGCAAGATTCCGCCAAAAGTTCTCCTCAATTCTCCTTTCCGCCACCGATTCGCACCAGTTT
AGTTGGTTCAGCTGTATCCTCCAATTAATTACTTCGAAGCTAGGACAATGGTGGAGCGTAAACGCCAGTAGCT
CGTGACACCTTTCTGTGGCTTCAGCTAAAATGCGCTCCAAGGATAGGATTTTCACTTTTATGATGGGGACGT
GGGAAGTGTTTACTTTGGTCCAAATCATCCAATGAAGCCACATCGGCTTTGTATGACTCATCATCTTGTTCTCTC
GTATGAGCTTCACAAGAAGATGGAAATTTATCGTCCCCACAAAGCATATCCTGTGGAACCTTGCTCAGTTCCATT
CAGCTGATTATGTAGAATTTCTGCACCGAATAAATCCAGATACTCAACACTTGTTTGCTAATGAGCTATCTAAA
TATAATCTTGAGAGGATTGCCCTGTCTTTGAGAAGTTGTTGAATTCTGCCAAATATACGCTGGTGGAACAA
AGATGCTGCACGCAGACTAAATCATCAACTATGTGATATTGCAATAAATTGGGCAGGTGGCTTACATCATGCT
AAAAAGTGCGAGGCTTCGGGGTTTTGCTACATCAATGACCTAGTTTTGGGGATATTAGAAGTTCTAAAATATC
ATTCTCGTGTTTTATATATTGACATAGATGTGCA

>trans_s_3845 NM_001049428|Oryza sativa Japonica Group Os01g0322800 (Os01g0322800)
mRNA, complete cds

GCTGCAAAAGGAAGATACTCNTTAGTTAGAATTTAAGTTTCCAAGATTTATTTAATTTTCTCTTCTTCAAATGAT
TCAATTTCTTATCAATTAGAATGTTTCAAATGCATCTTGAATATCTTCTTCCACCAATTGCTTAAAGATGAGGA
AATTATGGATGTTTAGTAGTTGACATCTAGAATTCATCAACAACATGGCTAATATTCTAGCTTCTAGATTTG
GTCTCTTAAGCCTTGGGGGAATCCTGACATAGGGTAAGATCTCGTTCGGATCAAAGTATGTTGCGACTAATAA
ATGCTCAAGTCGCAGGTATCTTTCAGGTTGCTCTTGCTTCATGACACCCATCACTTGAGTTTGCCTTAGAATAG
CACGAGCCGTATCCAATTCACGAAGCTCAATCTTCTAATAAATCTGTTTCATACAAGTCTCCAATTTATTTCT
TTGGAAGCTTAAGTTGAGACACTTGAGGCAATATAGCATCCACCGTCCAGAGTTTATATCAGCAACAAAAGT
TTCAATGCTGTCTACAGTATTCAAAGAAACCTGACACTCGTTCTGTAATGTCTGGAATGTTTGGTGCAATGAAT
TTTCTTTACAAAAGTGAAGCACGATCTTGATGACATCCCTAGCTTCGATTCGAGTGTAGACATGCTGGGAAGG

CTCGAAGGTAAACTCGACCAGAGGAAAGCGGGGGAGAGTATAGATTAGGGCTTAATTTTTTGCCGGAATG
ATTTCCCAAGTAACGGCTCCAAAATAAAGA

>trans_s_3846 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGGGCTACACATCCCTCTTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATATACTTCTAATGTCGAATCAGGATCAACTA
GGACAGAAATAAAGCATTGGGTGCAACTCTTCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGTCATCGACTCCC
GGGAAAGGGTAGAAGAATGGGACCTATTATGGGACATACAATGCATTACAGACGTATGATCATTACGCTTCA
ACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTTAGAAAGAAAAGAACTTAAATCAAATACTTAATAGCATGGCGATACATT
TATACAAAACCTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTAAATCCAATCCACGAAATAA
TTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGTCGTAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAGGGCATAGAGG
GGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTACCCGCGAGGGTGCACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGT
AACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAAAGATAT
ATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTGTTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAAATGGGAA
ATGCCCTACCTTTGACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGGAAGGGGGG
ACAATTAGCTAGAGCAGCCTTGGGACCCTAATGAGAAAGGG

>trans_s_3847 XM_002866672|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MAPKKK19, mRNA

CAAATTATTCGGTGTTTCGGGGAGAGTTGTAGTGTGCGAGAACGGCGAGGAGCTTTACAATCTGTTTCTCGAGT
ATGCTACTGGTGGGAGTTTAGCCGATAGAATACAGAGCTGCGGTGGTCGGCTGCCGGAATTTGAGGTTTCGAC
GGTACAGGAGGACTATTCTGAAGGGCTTCGGTATATTCATGGAAAGGGGTTTGTTCACTGCGATGTTAAGCC
TAGGAATATTCTCGTGTTTGGTGACGGCGATGCAAAGATTGCCGATTCGGATTGTGGAAGAAGGCGGGAAA
GAACAGGGTAGAAACAGGGGAAGAGACAGGGAGATTTCAATTGAGAGGCTCTCCTCTGTACATGTCGCCGG
AATCGCTTAACGATAATGAGTATGAGTCGCCGTGTGACATATGGGCCGTGCGATGCGCGGTGGTGAGATGT
TCACAGAGAAGCCCGCGTGGAATTGTCGCCGGAATCCAACGTGTTTGCTTTGTTAATCAAATTGGGATTGG
AGAAGAATTGCCGGAATCCCTAAAGACCTATCGGAAGAAGGGAAAGACTTTCTCAGAAAATGTTTGGTGAA
GGATCCAGTAAAGAGATGGACGGCCGATATGCTTCTAAAACACCCGTTCTAGCAGACTCCGGGAGGTGTGT
TCCATTGGGGGAAATGGACGAAGTATCGACGTCGCCAAGATGTCCTTTCGATTTCGAAGATTGGGCATCGATT
CATTCACAAGAGAGGGATCCTAGAAATGAAGAGGAATCAAATTGTTG

>trans_s_3848 BT006546|Arabidopsis thaliana At1g53560 gene, complete cds

ATTCGCGCCGACGGTTTCGTTTCTAGAGAGAGAGAATGAGCCAAGAAGACAAATCCGCCGCTGTGGGTGTGCG
TCCACCACCATCACGAATCCAATTCGCCCATCCTCACTACGGAACCTTCCACGGCGTCGCTAATTCTCCCCC
GTCGGATTCCCTCAGCCTACTCGCCCGCCTGGACTCTCCGACTCCCACCATCCTTCTCAATACCAGCACCATGCT
CGCGGCTATCAAGCTGTACCCGGATATGCTATTGTTGAAGGAAGACCAGTGAGAGAGCCGCCCTTCCTTGCT
GTGGCATTGGCATTGGGTGGTTCTGTTTATTATTGGTTTCTTCCTTGCGGCTATCCCATGGTATGCTGGAGCA
ATTCTTATACTATGTGGCAGGGTTGACTACCGTGAGAAACCAGGATATGTTGCCTGCTCAATTGCTGCTGTTAT
TGCCCACTTGCAATTATATTCCGTGCAACAAGGGAAGCTGATGTCTGGTAACCAATCCTAAACTTAAAGTATT
GTACAGTTTGCAATATGTATGAACTGACAGAGCCCATGGGCAAGCTTAGTTCCATTGAAACCTGAATCTGTG
AGAGCCTATCACTACAAGAAATTACACTTTTCCCAATGGATAAACTCATTGGGAAAACCTCGAAAAGCTTCTG
GAAAATTTCTCCCGACGCCACATTGGGCATTGTCATGATCGTCAGGAAAGATTTCCTCGGGAGAACCTTAATTT
CTTGTGTTGTATACATTTGGTTAGTGGTTGTT

>trans_s_3849 HM122551|Malus x domestica GATA domain class transcription factor (GATA1)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTCTTTTACCGATTCTTCTGCCAATTTTACTTGCTCCTCTTTTCTCTCGAACAACGAGATTTTGT
GAGTTTGTGTGTGTGTGAGAGAGAGTTTTCGTTTTGGTGTGGTCATGGAGGTGAACAAATTTCTGATCGGTGG
ATATTTTCGATGGTGGTGTGGGAGAGTTTTCGCAGGAGATGACGAAGGCTGCGGAGCATTTACCATTGATGA
CCTACTTGACTTTTCTAATGAAGATACGATAATGACAGACGGTTGCTTCGATAACGTGGCGGGAAGTTCGACG
GATTCCTCAACCATTACTGCAGTTGATAGCTGTAATTCCTCTGTCTCTGGTGGTGATCATCATTTCCATGGA
AATATCGGCTCTCGGAGTTTCGACGAGTCTCAATTCTCCGGAGACCTTTGCGTTCCGTGCGATGATTTAGCGG
AACTCGAATGGCTCTCGAATTCGTTGAAGATTCAATCTCCACGGAAGGGAAAGATCTCAAGTGCTTAATTAC
CTCTCTAATAGTCATTCAATTTCCAAACCTCAAACCTCCAGAACTTCATCTTCCTCGGCATTACCGCCTCCGTAT
CAATTCCTCCGATTCTCGAATAATTCGCCGCGTTTCCAGCCGAAACGCCGCTCCCTTGCAAAGCTCGAAGC
AAGCGATCGCGAACCGCTCCTTGTGACTGGACCACACGCCTCCTCCATCTCCTCTCTCCAACCGATCCTAAAC
CGCCGAAATCATCTTCGTGCAAGAAGAA

>trans_s_3850 XM_002302275|Populus trichocarpa histone H3 (HTR901), mRNA

ACTTCATTGCTTTTGAAAGATTTCCCAATCTCTTCGTGCGCCAAAATTCTCTCTCGCTTCTCAACCCTTCTCGG
CTTTTTCATCCAGATGGCTCGTACGAAGCAAACCTGCTCGCAAATCTACAGGAGGGAAGGCTCCAGAAAGCA
GCTTGCTACTAAGGCTGCGCGTAAGTCGGCTCCCACTGGAGGCGTGAAGAAACCACACAGATACCGCCC
AGGAACAGTCGCTCTTCGAGAAATCCGCAAGTACCAGAAGAGTACAGAGCTCCTAATCCGCAAACCTCCATTC
CAGAGGCTTGTTGCTGAAATTGCACAGGATTTCAAAACAGATCTACGTTTCCAGAGCCACGCGGTTTTGGCAT
TACAAGAAGCTGCTGAAGCTTATCTTGTTGGGTTGTTGGAAGATACCAATCTCTGCGCCATTCACGCCAAGCGT
GTTACAATCATGCCAAAAGATATCCAACCTGCCAGAAGAATCCGTGGTGAAAGAGCTTAAATCCAACCTTCATC
TAAGATTAGACTATGCGTCAAATATAATTTTTTTTTTCTCTTTTGTGGAATTGCAATCTATGTGTAAATTGTGTT
TTGCTTCAATAAACACAATCTATACTTTTACTTCCATGAACATTATTATTGGTTTCAAACCTACAAAGTTTGTAT
TATCTTTATGTGAAATTCAATTTGTCTTCACAAAAAAGGAAAATTTACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3851 EU407180|Cucumis sativus cytosolic superoxide dismutase (SOD) mRNA, complete cds

ATTTCTAGACTCTTCGTTCCCATTCATCTCACCTGCCTTCTTTTCTTCTGTCCAAGGGGTGTTCTGAGATCACA
GGAAAGATGGTAAAGGCTGTAGCTGTTCTTGGAAGTAGTGAGGGTGTGAGTGGAACCTATCTTTTTACCCAA
GAAGGAGATGGTCCAACCACTGTTACGGGCAATGTTTCTGGTCTCAAGCCCGGGCTCATGGATTCCATGTTT
ACGCCTTAGGTGACACAACCAATGGCTGCATGTCGACTGGGCCACATTTCAACCCTGCTGGAAAGCAACATGG
TGCTCCCGAGGACGAGAACCGCCATGCCGGTGATTAGGGAACATTATCGTTGGTGAAGATGGCACGGCTAA
CTTACCATTACTGACAACCAATTTCTCTCTGTGGAAAGGACTCCATTATCGGAAGGGCGGTTGTGGTTCATG
GAGACCCTGATGATCTTGGCAAGGGTGGACATGAACTCAGCTTAAGTACAGGAAATGCTGGTGCTAGAGTAG
CCTGTGGCATTATTGGTCTGCAAGGTTAAGATTTGTTGCCTTCGTTGCCGTTTCTATTGAAGCATTGAACCCAA
ATGCTATCTAGTGCTTCCAAGAATATTCCTAAACTCGCGTGAATGAATAAAACGCAGCACTGTACTTTTTCTTT
TTCTTTTACTTTTTTGTGACGATTAGATCTTTTACTTATCCATACTTGCTGCTGTTTTATTATTATTTCTGGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3852 XM_002872439|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytochrome C-2 (CYTC-2), mRNA

ATCCTTCTACAAACACTGTAAACCCTAGCCTTCAGATCCGATCGCCACCTCATTTGCCATGGCAAGCTTTGAC
GAAGCACCTCCCGCAATTCAAAACCTGGAGAGAAGATCTTCAAGACCAAATGCGCTCAGTGCCACACTGTTG
ACAAAGGGGCTGGCCACAAGCAAGGTCCCAATTTGAATGGGTTATTTGGACGTCAATCTGGTACAACCTCTGG
ATACTCTTACTCTGCTGCCAACAAGAATATGGCTGTGATATGGGAAGAAAAGACGTTGTATGATTACTTGCTTA

ACCCAAGAAGTATATCCCTGGAACGAAAATGGTTTTCCAGGGTTGAAGAAACCGCAGGAACGTGCCGACC
TTATTGCTTATCTGAAGGAATCAACTGCTTAAATGAGATATATATGATGCGTTTACCCATCTAGAAATTTTTAG
ACGTTCCCCCTCATTAATAAGAACATTGAGGAAAATTTAGATGAAACATACAGAGTAATCATCCTGTGGCAA
AAAGAGTCGTCTTGTGAAAACCACAAGAGTTCCTTTTCTTTTCATTAATCTCTTATTTTGAAGAGTTAATCCATT
TGTAAGCTTACATTATTGTTTGGTGTGATGAACACTGCTACAATTTTTTTTTGGCCAAGCTGGTTATGGCAATTT
ATTTTTCATAATAAATATCACACTTGTTACAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
ACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3853 AY104376|Zea mays PCO082841 mRNA sequence

TGACCCAAATTCCCAACTCCATACTAAAACCCTAGTTTCCGTCGATCTCACTAACACACCAGAATTCATCATCA
TGGCATCATACGATTACGACGACTCACGGGCCAACTACGATGACCCCGCCACGCTCCGGTGTCTCTCCGGC
TGGCCAAGACATTGGCTACGACCCCAATTTGTTCCAGATTCCGTCGAGTCCTTGTCTGTTTCTATACCGCC
ACATCCGTGAGAAGAATGTATATGAAACCCATCAAATGTATGAAACGTCCTTCCAGTCCTTATCTGACCGCCTA
TTCAAGGACACACCCTGGCCCTCAGTTGATGCTGTGGCTCACTTTGTGGATAATGACCATGTGTTCTGCCTGCT
TTACCGTGAGATGTGGTTTCGCCATCTCTATGCTAGGCTATCACCAACTTTGAAGCAGAGGATTGACTCTTGGG
ATAACTATTGTAGCTTATTTAGGTGGTTTTGCACGGAGTCGTGAATATGCAATTGCCTAACCAAGTGGTTATGG
GATATGGTGGAAATGAAGTTTGTATCAGTTCCAGAGTTTCTGCCAGTACCGGGCTAAGATGAAGAATAAGAC
CGAGCAGGAAATTGCTCTTCTGAGGCAATTCGATCAGGCTTGAACGTATATGGTGTCTCACTACTTGCAA
GCTTTCGTAGAGAAATCCTCAATCATTATTCATTCTTGAGGAGGAGAAGGAAGGTCTTGAACAATTTACAGCCA
CTGATGGGTATGACTATAGTGGTGGAAAGTAGT

>trans_s_3854 FJ362592|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L35a (RPL35A) mRNA, complete cds

TCTAAATCATTTTCCCCATTATAAAAGCTTCCTCTTCTACTAGCGGCAACCTTCTTCTTTGAACAGCAGCTCCATC
TTCCTCACTTCAACCTCCAAGTCTAAGTCGTTTTTCAAACCCTAGACTGCGACAGCCATGGTGAAGGGAAGCC
AGGGAGAAAGAATCAGACTCTACGTCAGAGGAACGGTCTTGGATACAAGAGGTGCAAGTCTAATCAGTATC
CAAGAACATCCCTGATTCAAATTGAAGGGGTGAACACCAGGGAAGAGGTCGCATGGTATGCTGGAAAGCGCT
TGGCATATATTTACAAGGCCAAAGTGAAGCAAAATGGAACACTACTACCGATGCATTTGGGGCAAGTTTCCAG
GCCTCATGGTAACAGTGGCATTGTCCGAGCTAAGTTCAAGTCAAACCTTGCCCCAAAATCCATGGGTGACAAA
ATTAGGGTGTATGTACCCAGCAATATATGAGTTCCTCTGATCAGCTAGCTAGAGGTCAGGTTTCATTTCTT
TGTTGACTTGGGGTGGATCCATATTTTGTATTACGACTTCTATCGGACCCAATGTTTAGATGTTTTGTTTTCA
TGTAACACTTCAGTAAGTTTGGAGTGTTTATTATGGAATATTACTTTCAATTTTGACGAAGTTTCATTTTACATC
AAGGCTTTACTGCAAAGACATGCTGAGCATCAATGGTGGTCACTTCACTTGCAATTATTATGAAGTGTTTATTG
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3855 AY056434|Arabidopsis thaliana AT5g24690/MXC17_8 mRNA, complete cds

AAAAAAGTTATCCCATGAGGGAATTTGACCTACAAAAGAGAATCCATTCTGTTCTTCTACAAAGCTGCAGAGTT
GTGCTTGGTCGGTATAACTGCAGGAGCAGCTCAAGGTGTTTTGTCCAATTTTCTCTCAAGTAAAAAGCAGGAA
AGGTTATCTGTATCAGTTCCAAGTGTGAGTACCAATGCTCTCGGGTATGGTGCTTTTCTCGGCCTCTATGCAA
TCTCCGGTATCAGTTACTATGCGGTTTTGACAGAGCAATGATCAATCATTTTGATGTTATTGGAGTCGCTCTGT
TTTTAAGCTCTGCAATGAGGGTTTTGAATGTGCAACTAGGAGAAAGATCAAGATTGGCTTGGCTTGAATAGA
GGCAGATCCATTGGTTTCAAGGGAAGTCTTGCAAGGTTTACAACCGACCTTCTGAAGACATTAATCAG
TCTTCTCGAAATGGTTTATTTCAAAGAATGCCATCATTTCTGGCCTTGGACTCCTCGGTCTCAAACAGTCTGGT
GCTGACTCTGTCTCTGAAGGTGAATCAGTACCCAAAGCACGGAGGAAGAGAATTGTTTCGGAGAAAGGTAACG
GCAGGTTCGTCGTGATCTTTATCCAGTTAATGCATTGTTTCAAGTACCCCAAGTTTGCAGTATGACTATAGATTT

GGTGCAAAGTTGCCGTATAAATCTTTGATAAAAGTTAGTTGATAGGTGGATAATATCCTGTCCTTTGATGTAAC
CTCGTGATCCCACTGGAGAAATTCATTTAAAGC

>trans_s_3856 NM_123466|Arabidopsis thaliana NRPB12; DNA binding / DNA-directed RNA
polymerase (NRPB12) mRNA, complete cds

AGTCAAGCCCTACGCGACTTCGATTTCTTTCTCTGCTCTCGCATCACCTCGCAGCGGAAGATTTTGAAGTTTC
ACTCATGGATCCTCAACCCGAACCAGTCAGCTACATCTGTGGAGATTGTGGAATGGAGAACACTCTGAAGCAG
GGTGATGTTATACAGTGCCGGGAGTGTGGTTATCGTATTCTCTACAAGAAGCGCACCCGTCGCATTGTTCACT
ACGAAGCCCGCTGAAATGCTTATTCTTGCGATGGACTTCTAGTATCATGCATATTTTGTAAAGTTTCTTTTAGGA
AAACAAAAACGATACTCGATATGGACTAAGGACTTGCTGTAGTACAAAACATGTTGATAACGCTGCTTAAATA
TTTTTCATTATCCTCTTGTGCTAACTCCATATCCAACGATAATATGAATGAATGGTTTATCTCTTGATAGACTG
GATGGTTCACTTTTGCATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCGGGGCC
CCATTTCCCCAAAAGGGGGGCAAAAAACGGCCCCCGGGGCGCCCTTTTAAACCGGGGGGGGGGAA
AACCCGGGGGTTCCCAATTTAACCCCTTGGGAGCAACTCC

>trans_s_3857 AY367058|Pisum sativum cultivar Alaska SAT5 mRNA, complete cds

TGCCTTCTCTCTTTCTTCCTTAATTCATCATCATGGCCAACGGCGACAACCTTGAGGAATCCAGCCCTCTTCTT
GGCAAGGTGCTTGAAAATGCGGATGAGAAGGATACCCTTCGTAGCTCCACCGCAGCCACCCCGATTGCTCTC
CTCCTCCCCCTCCTTTTCGTAAAGATATGGAGGAGGAGAATCGCGATGGTGGCTCTGATTATGGCTGGACTGC
TGATGGGTTGCCGTTTCATGGCAGTGTGGTCGGGGAGCCAGTCGGTCGTGCCCAATGGGAACTGATCTCTG
CGCTTGATTGGTCGCCACGATGAATTTTGCAGTAGCGATCTTGAAGTTTGTCTTCTTGAAGTGTGGCTCCTT
GCATTCTGTATGGAACAAATGCAGAGAGACTTGGGTCTTCTACTCCTGGGACTTTTGCAAACCATTCATGTCA
TATTCTGGTCTTTACTTAATTGGAACCTCTTCTTTGGTTGGAAGTGTCTGGCTCCATGGTTACATATCCTACTC
GTACAGCTATTTCGTCGAATGTTCAATTTGGAGGGTAAGTGCAGAGGCACTTCATAGGTCATGTGGCTGTTGCGG
ACTCTGTGTTGAAGATGAAGTTCAACGTGAGCACTGTGAATCTGTTTGTGACTTTGCAACTCATATCTTCTGTC
ACACGTGTGCACTTTGCCAGGAAGGTCGTGAACCTTCGTGAGGATGCCTCACCCAGGCTTCAATGCTCGTCC
TGTTTTAGTCATGATCCACCTGGAGAACAGT

>trans_s_3858 NM_103872|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT1G49850) mRNA, complete cds

TAAAAAAAAAATTGGCTATAGATTCAAATGGTTATCAAATTGATCTCTAGTCAAGCTATTGATTTGATTATTG
TTATTCTTCATTGATAATTCTGTTTTCCATTGCTGTGAAATAATTAGAACCAGAATAAATCAAATTGCAGAAATT
GGTACTGATAGTGACAATGGATATAACTTTTTCAAGTTTTATTAAGTCTTAAATGCTACTTTGCTATTAAACCTTG
ATTTAATTGGTATGTGTTTCATGGATACGTAATTTGGTTAATTAATAATGCTTTTCTTTATTATTGTTGATGTTTT
TTTCTGGGTTGTCATCTCTGTCTGAATGTTATCTTCAATTATTTGGAGGCATTAACACTATGTTTTCGTTATAAC
TTTCATAGATCGATCCCCTGCACAGTCTGACTCAGCTACGAGCGTTGGTTCTAGAAATAATATCAATGGAAAT
ACTCAGAATAGCTTGAGGTCTGGGTTAAGTGGGGATTCCAGATTGCCACCATCTGTTTTACTTGCTAGAGAAA
GGCTTCTCAAGAGATTGAGAGGTGCCTCTTCTCCAACGAGCAGGAACGCACTTGTGCAAGCATCAAATGGAA
ATCCAGAAATCTCAACAAGTCGATCGCAGAGGATATCCCTCATCGATGCTGACAGGATGCGATTAGTAGCTGT
ACCTAGCAAGAGGCCTCCTGGTCTTTCCCAGGATGCAATCGACCGCTTCAACTTGAGGTTTGTATCAATACAG
ATCGTATCATCGATGACGATGTGATGA

>trans_s_3859 NM_001070353|Oryza sativa Japonica Group Os09g0542000 (Os09g0542000)
mRNA, partial cds

GCCACCCCTTTTCTTCTCCTTCTCCTTCTCTTCTATATATTCTTCCTTCTTTCTTTACCCACCGGGGCCTTCGG
AAAGGCGCTTCATTTTTTTAAAAAAACCACCCAATACCCAATCATCAACGCACACACACACACACACGCGAC
GGAGTGCTGTAGATTCTTCTACCTCTTCCAAGCTTCTCTTGACATTCTTCTTTCTTTCTTCTTCTACTACTGAC
CTCACCCTACTCACGATGGATAGGTACCAGAGAGTGGAGAAGCCCCAAGTCAGAGAATACTCCTATAAACGAGA
ATGAGATTGCGATTACTACTCAAGGAAGGATGAGAACTACATTACTTATGCCACCCTATTCTTCAGGAGAA
AGGGTCAAACGAGATTGTTGTCAAGGGAATGGGCAGAGCTATCAATAAGACTGTTATGATTGCTGAGCTAAT
TAAGAGAAGGATTGTCGGTCTCCATCAGAACACAGCAATTGGATCCACTGATATAACTGACATGTGGGAGCC
ACTTGAAGAAGGACTTCTCCTCTCGAGACTACAAGACATGTTTCAATGGTGTCAATTACCTTGTCCAAGAAGG
AGCTAGATACACCTTCTACAGGATACCAATCACCTCTTCCCGTTGACCAAGTGAAACCATGGAATGAATTTGAA
GATGAAGGAGATGGATCACCTAGAATAAGAAGTAGGGGACGTGGTAGAGGAAGAGGCAGGGGTAGAGGG
AACTACAACGGTCCATCTGAGTATCAGGGAGATG

>trans_s_3860 XM_002866732|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA binding protein, mRNA

TTGAATTTGGGCGTTGGAATCGGAAGCCAAAATCGAAGTTCAGAATCAATCCTTCGTAATCTTGGTTAGGGTC
TTCCTTTTCCGCTTCTTCTCTTCTCTTCTCTTTGAATCCACTTCCTTAATCCTTCGCAATCCATCCAATTTACTC
CTTTCCGTCGTTTATCAGAGTGTAGCTTTTGAGATTCAACACAATCATGTACGGACCCAGAGGTTAGCAGCA
GCACTGCTGGATTTC AACCTTACGGCTATGGGAGTTTTCCACCTACTCATGCCTCCCTGTGGTTCGCCTTAGA
GGACTTCCCTTCAACTGCACTGACATAGATATTTTCAAGTTCTTTGCTGGACTGGACATTGTGGATGTGCTGCT
TGACAACAAGAATGGACGGTTCATGGGAGAGGCCCTTTGTTGTCTTTGCTGGCTCTGTGCAGGTTGAGTTTGCA
TTGCAACGTGATCGACAGAATATGGGACGTAGGTATGTAGAAGTCTTCAGGAGCAAAGGCAAGATTATTAC
AACGCTATTGCTACAGAAGTAAATTACGAGGGCATTATGATAATGATTACCACGGAAGACCTCCTCCTCGAC
AAAAGAGGTTCAAGTGACAAGGACCAGATGGAATACACCGAGATACTGAACTTCGTGGTCTACACTTCTCTGT
GACAAAATCCAACATCATTGAATTTTTCGGAGAGTTTGACCTTGCAGAAGATAGGATACATATTGCAAGTCGT
CCAGATGGGAAGGCTACTGGGGAGGCTTACG

>trans_s_3861 NM_001057105|Oryza sativa Japonica Group Os03g0586600 (Os03g0586600)
mRNA, complete cds

TCAAACCTATTCTCTCGAAAATATTTCTCAAGGGTTTTGAATCCAGTCGAGACCCAGGGTTTTCCACAGAC
CAACAGTTTTTCTATCCATCATCAATGGCGGACGACGATTACAATGACCTTGACATGGGATACGAAGATGAGC
CACCAGAACCTGAGATTGAGGAAGGTGCTGAAGAAGAATTGGATACTAACAATGATGATGTTCTGCTGAAC
CCGTTGAAGCGGAGGAAAAGGAAGATGAAGAACCTGTTGAACGTGTGCGTAAAACCTCAAAATTTATGACTA
AGTATGAACGTGCTAGAATTTTGGGTACACGCGCCCTCCAAATCAGCATGAATGCTCCTGTGATGGTTGAATT
GGAGGGTGAGACTGATCCACTTGAGATTGCAATGAAGGAACTTCGTGAGCGGAAGATACCTTTACCATCCG
TCGTTACTTGCCAGATGGAAGTTATGAAGACTGGGGCGTTGATGAACTGATTGTGGAAGACTCTTGGAAGAG
GCAAGTTGGTGGTGTGTTGAATTTTGTGTTCTTGTGAGATAATAGCTTCTGTTAATTGCATAGCCGATCTGTTT
GCTCCTTTAATCAACTGTGAGTGTCTTGGTTGTTGCATAACTAATCTATAATATTGGAATGAAATCACTTTTGA
GAACCAAACATTTATTGTTAGTTCACGACTAAACATGCCATTAACACTGAATAACCTCCATTAGCCAAAAACTT
TATGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3862 BT004623|Arabidopsis thaliana At5g42860 gene, complete cds

TCGCATCAGGAACCGTAAGTTCCCAAACCTAACCCCCAAATTTCTTCTCATTCAATCTCTAACAAATTGTCGG
AATTTTCAGGTTAAAAAGTTCTATCAATCACGGAAGAGTCATAGATCTCTAACTATCAATGTAATCGGCACCAG
AGTCCCCTGTACGGAAGTGGAGCAAGTCTGAGCAGTTCCACTGGAACCCCCGAACTCCATTGCCGTTGAAA
CTGAGTTTCGTGATCAGATCCAGAGCCTACGTGCTGGGCCAATTAGTGAAGCCAAAATTCTACAGACACATCG
ATTGCCCCATAATTTTCGATTCCAAGAACTCAATGTCCCCATGTCGCTCAAGAATTGCACAGTCGGTTGAAAA
CGAAATCGAGAATCACTTCAACATTTATTAATAATCAGTACTTGTTTTTTTGTTCTTGAGGTGTCTAGGAGTGG
CGGACTGCGACAACCTCGAACAGAAACGGGGGACGCCAGAACGGGAAGGGTAAAAGAGGAATAAGCGACAG
AAACGGGGTTTCGATTGGCTGCCGTTTGCCCGACTAGTGCAATACAGGTTGGTTTCCGGGCAGCGACATGTG
AATGAATGTTGGCCTTTTATTTTATTTTCGATTTTAAATTCTCTCATTCTTTTAAATTACGATATGTTTGAGTGATG
ATATGATCATAATATATAATAAATCAAATTTTAAATTACATGTTTTTGCTCCATCATTGTACTATTATTATTCTTA
ATAAATGGTTTACTTATATACTTTTAGA

>trans_s_3863 DQ787070|Glycine max bZIP transcription factor bZIP121 (bZIP121) mRNA,
complete cds

GCCCTTCCCTTTCGCTGAATGTTCTTCACCGATCTGGTCTTCATGTGTTATTCCTCCCTAGGGTTTCTCTTCTTA
TACACCCCTTTTTTCATCTCTTTTCCCAATTGGCTTTTCATTTCCATGTAATGCTGTTCTCCCTTTTGATTTCTGTG
CCGATTGCATGCTTTCCTTTTCGCGTTTCAGTGATTTCCGTGGTGGGCTTTTCTTATCTCTAACCATTCCTTGT
TTTTGGTGCTTTTGATTAATGCTGCCGCCTCATTTTTAGTTGACTCAACCATTGTTCTTAATTGGTTGACGTTCTT
ACTGAAATCCCTACGTGGGTTTACTGAGTTTTTCCATCGTTGTTGTTTATGCCGAACCCCCATTTCCCTAATTC
AGTTCAGAAGCTTCGTTTTTTTAACTCGGAATCTAGGAATTGGTGGCTGAGTTCAATATTTTCATCTGTGTTGG
TCTCAAAATTTTGAATTATTTCTTCCAGTTTGTATTGTTGATTCTGTATTAAGTTATGGACGACGGGGAGCTTGA
TTTTCAAATCAGGATGTTTTTCCAGCCCTAATATCGAGATTCCAAGCAGTTGTTCAATGGATAGTTTCTTTGA
TGAACTTCTCAAAGATACTCATACTTGTACTCATACATACTTGCAATCCACCAGGCCCTGACTACTCTCATAC
CCACACATGTTTTCATGTCCACACTAAAATTGTCCCTGCCCCATCTGAAGAAGAAAAGGTTGTTACTGATGATA
CTGCTGAATCAACTG

>trans_s_3864 AY098975|Arabidopsis thaliana At1g77350/F2P24_6 mRNA, complete cds

AAGGAGACCGGCTTCGAACCGTCGACTCGTCGTTAGAGAAGAAGAAACGAAAGCTGCTGCCGGAGGCCATG
GCGGGGTCTGGGAGTTCCATGCTTTACTCATTTCTTCTATTTCATTGTCATTCTTTCGCTTCAAGAGATGTATAGA
GGAAAGTTGGCTTCATCGGAGTTGTTTACCATACTCGGAGGATTTGTCAGTTCTTCTGTTTCTGGTGCTTCTA
ACATTTATAGGAACTTCCAGGAAACAAGTGGCGTGCGAACTGGATGGGGAGCTGTCATCGTAGCAGAAAGCA
GTTGCATTGATTGCTGCAAGCACTGTTTCATAGAGTTTGCATCACAACATGTTTCTTGTCTCCGCTGGACTGCT
GTATGAGTTGAACAAGCTTTCGGGTGCGACACTTTCTAAATCTGAATCTAGAGTCAAAGACACTGAGATGGA
AACTTAGCTCGTCAGACCGAACTATGTCGTTTTTGGAGTTTTCTTTTACTCCTACCTCCTGCAGGATGACTG
CACCTTATGGTGTTTGATTAGTTGTGTTTTGTTTATGTTTTCGTTTTGTCTTTGGAGAGGAGCGGCTGTGGGA
ACAATTTTACATTCATAGCTATTATAACATTAACAGTGTTAGCTATTTCTGTCGTCTATTATTAATCTAGAAT
CTTTTCAAACGTAGCCTAAATTTGTCATCAATGAATATTTGTGAAATTATTATAAAAACAAAAGAGAGTATT
TTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3865 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

TGCGACTATCTCCACTATAGAAAGAAAAAAGAGAAAATTCGCTAATAAATACTAAAAAATAGGCTTTCT
ACATATGTATTGTCAAACCTAACGATTTGTATCAGCTGTAGCAAAGAAAGAACTTCATAGAAGCAGAAATAT
GAAGAAATAGGTATGCCTAGATACTCTATTCTATGGATAAAGGATCTAATTGATAGAAGAAGCACCGTAAAGA
TCAATTAGTCAGGTTTTTGCCGATACAATAAAACTGCTTACTTATACCATGATATAAGATCAAATGAAGGA

ATCCAATTATGTAATAGGGTGGATCCCCTACAATATTGAGCAGCGGTGTAGCATCAGATCCCAAAGACAGTAA
GTCTTTTCTTTCTTATGAAGGAAAGTCTTTTCAAGGATTCTATATAAATTTCTAGATGAAACCGAGATAGTTAT
CTTTCAGAAAATTGTAACGATAGTGGGTGGAATGCCTATGCTTTATTCTTCTGAAGGTGGGAGAAAAGATAAA
ACTTATTTAATTATTCAGCAAAATTGAAGTTTGAACTTATATAATTAACCGCTTTTGCTTAACCTCGAGAAAAAA
AAATGGGCTAGATCTATGAAAAATTTCAATTCAATTAGATTAGATATGATAAATTTTTTAAATATGGGACAGCA
AAAGAATTGACTGTTGAGCCGTATGAGGTAGGAACTCTCAAGTACGGTCCTAAGGGAAGGAATTTACCTGC
CTATTCCGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3866 AL161563|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 63

AATCAAATCCTAAACTTTAGTTGCTTCACTTTATACGCGCGTTTCACATAGAGTCGACGGAGAAAGATCGAGTC
AGACCTAGAGGCATCGAGAAGCAGAGAGTCAAGGGAAGGACAACCGCTACCGGAGACTGTGACGGCCGA
GTTCAATCGATAAGCTCTAATAGAAGAGGGGGAGATCGCCGACGAGGGAAGAGTGCACAAGTCTCTGTGGC
TGATTTGAATAATCTAGTGCCCTAAAATTTCTCGATTCTCTTCCACCTGCCGATAATTTCAGGCTCCGGCGAAA
GAGGACGCCGATGGGCTTTATCAGAAGTAGCTTCTCTTTATAGCGGGATCTGTGTTCCGGGATTTACGTGGCT
CAAAATTACAACGTTCCCAATATCAGGAAGCTCGCAAATACTGGACTTGCGATGGCCAAGCACATTGAAGAGA
ATTACAGGAAGCCAAAGAAGAGGGGATGATGATGATTGATTGGATGATTACAATCCAGGTTCCCCCTTTGAC
ATACTATTGAAGTAGTGCTTGTACTTCTGGATCTGTAGGCATTGAATATACGTTGAAATTTCTGGTCTTATAT
ACGGGAGACTGATTTTTTTTTCTTTAGAAATGTAACGAGTTTCGATCACATAATTGGAGTTTGAATTTCTTCTC
ACATGAATGCATCATTTTTGGCTTTGGATGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3867 FJ619057|Jatropha curcas ribosomal protein L15 mRNA, complete cds

TGAACCTCTCTTTTACAATGGGGGCTTACAAGTATGTGTGCGAGCTATGGAGGAAAAAGCAGTCCGATGTGAT
GAGGTTTCTACAGAGGGTGAGATGCTGGGAATATCGCCAACACCCTTCAATTGTCCGCGTCAATCATCCCACT
CGCCCGGATAAAGCTCGGCGTCTTGTTACAAGGCCAAGCAGGGTTATGTGGTTTATAGGGTACGTGTGAGA
CGTGGTGGTAGGAAGAGGCCAGTTCCTCAAGGGTATTGTGTATGGAAAACCAACGAACCAGGGTGTACCCAA
TTGAAGTTCCAGCGCAGCAAGCGGTCAGTTGCTGAAGAACGAGCAGGGCGAAAGTTGGGTGGTTTGAGGGT
TCTCAACTCGTACTGGATCAACGAGGATTCTACTTACAAATACTATGAGGTGATTTTGGTTGATGTTGCCATA
ATGCCATTGCAATGACCCGAGAATCAAGTGGATCTGCAATCCCGTCCACAAGCACAGGGAGCTCAGAGGAC
TTACATCCGAGGCAAGAAGTACAGGGGTCTTCGTGGAAAAGGACACTTGCAACCACAAGGCCAGGCCTTCTC
GCAGAGCAACCTGGAAGAGGAACAATACTCTATCTCTCCGTCGTTATCGTTGATTTTGGTATCGTTTTGCTCTG
TTTTGTTATTTTATTACGAGCATCCTGTTTGGGGAATGTTGTGGCTGAAAGTTACTTCGATCTGGAAATTTTG
AACTATATAATTTGTGTTGAGACTTGTGAGGATCAGAAA

>trans_s_3868 NM_001059988|Oryza sativa Japonica Group Os04g0543200 (Os04g0543200)
mRNA, complete cds

ATTGGCCTGGGCGCACAACCTGGACGTGTTAGGGGTTCTTGGGCACGGCCAGCTCCACGAAGTATTCCTATTG
AGGAGTTAGAGGTGTTGGCAGCCATCTCCACCAAGTCAGTGTAAGAGACCTAGTGGTGTAGAGATAGACG
TCCCGTCATCGCGGTGCCACCACGAGGAAGACCTGTTGCTGCTGTAGCAAGGTCTTATGACAGGGGTCTCTCT
GTTGCTTCTTACTCAAAGAGTAGCTTGAAGAGGGAATATGGTCGACGGGAGGAGCTGCATCCATCCAGAAGC
CGGATGCTAGTTGATTATACCTCCAGAGTTGTACCAGAAAGAAATCCATCCTACAGAGATGAATATGCTTCTC
GGGCTGCTGCCTTCTCTGATCCACCTAGGAGGGATGCACCCAGGAGAGCTTACGTAGATGATGGATACAGCC
GAAGGTTTGAAAGACCCCTCCACCAAGCTACCGTGATGTACGTGCACGCGATTATGATGCTCTAATTGGATC
AAAACGACCATATTCATCAATGAGTGATGTACCTCCTGCTTATGCTGATGCTGGCGTTCGTCAATCAAGAAGTC

GTTTAGACTACGATTATGGTACTGGTGCTTCTCAATATGGTGATGCTTATGATAGCCGGATTGGAAGATCAAA
TATTGGAGGATATGATAGTCGAAGTTCCATATCAGGTTCTTTTAGCAGTGATGTTGGAATGTATTCGTCTAGCT
ATGGCGGGGAGTATATGACCCGTGGTAGCAATGTGGGT

>trans_s_3869 NM_111840|Arabidopsis thaliana OMR1 (L-O-METHYLTHREONINE RESISTANT 1); L-
threonine ammonia-lyase (OMR1) mRNA, complete cds

ATCACCAAAACCAACGAAGCTACTACCTTTTAATTACTCTTCCATTATTATTCAAGAAAATGTCATTTTGGCCAA
GGGAACAGCCAAGAGGAGGAAGGGCAGGACATGGCCGTCAATCCCATGGCCAATGGGAACACCAAGAAGG
AAGGGGAAGGCCAGAACATGGCTTTCATTCCAAATGCCAAACCCATGGGAACAACAACCCCAACCAAC
AACTCAAAGGGACCATACCCCGTTATAGATCCTAAGAATAATGAGACTATTACAATTAAGATTCCGGTCTGTG
TCATGGAAAGAGCTGCAGTACCCGTCTGGGAAGCTCGGAGCTGTTCTAAACGGCCTGAGGTTATTGATGAA
CAAAAACAGATGGAATATTTGAAAAAGATCTTGAGTTCTAAGGTGTACGATGTCACTTCTGAATCCCCATTGC
ACTTTCACCTAATTTATCTAAAGGATTGGGAGTCAATATATGGCTCAAGAGGGAAGACACACACCCGGTGTG
TTCGTTCAAGCCGAGAGGAGCTTATAACATGATGTCATCTCTTCCAAAAGAAGAACTAGAAAAAGGAGTTATT
TGTGCTTCCTCTGGAAATCATGCCCAAGGTGTGGCATTGCTGCTTCTAAATTAATAAATCAATCTCTCGTTGTT
ATGCCTCGTTCAACCCACCAAATAAGATTGAGGCAGTTAAGAATTTGGGAGGAAATGTTGTTTTGTTGGAG
ATACTTTCGATGACGCACTTTGACATGCTAAACAGCTG

>trans_s_3870 XM_002893568|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipase class 3 family protein, mRNA

TAGAGAAATCAGTTTAACCATAACAGGGCACAGTCTCGGTGGTGCTCTATCTCTGTTAACAGCATACGAAGCG
GGGGTGACATTTCCGGCCGACGTACACGTAAGCGTGGTGTCGTTCCGAGCTCCAAGAGTTGGGAATTTAGCG
TTTAGAGAGAACTAAACGAAATGGGAGTGAAGACACTTCGTGTAGTGATAAGACAAGACATTGTTCCGAAG
CTTCTGGTCTGTTTGTGAATTCGATTGTGAACAAGTTAGGTGCTGTGACGGGGAAGTTGAATTGGGTGTATC
GACATGTCGGGAAGGAGTTGAGGATGAATATGTATATGTCACCGTATTTGAAGAAGGATTCCGACATGTCGG
GGAGTCATAACTTGGAGATTTATTTGCATTTGGTGGATGGGTTTGTGGCTAAGAAGGGGAAATTCAGGTGGA
ATTCAAGAAGGGATGTGGCTTTGGTGAATAAAGGTAGTGATATGCTTGTGGAAGAGTTGAGAATTCCTGAGT
TTTTGTATCAATTGCCACATAAAGGGTTGATTAAGAATAGGTTTGGGAGATGGGTAAAGCCAGGGAGAAACC
CAGAAGATATTCCTTCACCGTTTTCTCAACCTTTACAAGTTTGACATTGTTTGGTCTTTTTCTGTTGTTTTGTGT
TCAATCATATATGTGAATTGGATCCATTGATGTAGATGATTTGATTAATCTTTTGTGAAATGAGGATTTTGG
ATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3871 AY106026|Zea mays PCO148532 mRNA sequence

GTTTTGGGGATCGGAAACTCATAAACCCCAACTCCTCAGTTTGCGATTTAGAGCTTTCCAACACAACCAAAAA
TGGCGACCGAAGAAGAAAGCACTGTTAAGGAGCCTTTGGATCTCATAAGGTTGAGTCTTGACGAGCGTATTT
ACGTCAAGCTTCGCTCTGACCGCGAACTCCGCGGCAAACTCCATGCTTATGATCAGCATCTTAATATGATTCTA
GGTGATGTCGAAGAAAGTGTTACTACAGTAGAAATCGATGATGAGACATATGAAGAAATTGTTGACATCC
AGGCGAACGGTTCGTTTCTCTCGTTAGAGGAGATGGGGTCATATTGGTTTCACCTCCACTGAGGACTGTGT
AACTAAGCCATCAGTCATTTGCGTGCATCTTAAAGGGAACTTCTTATTTGCCTTCTCTACCAAATGACTGGA
GTTGGAATACTATCAAGTACTGACCCCATCATAGACTAGGCTTATCATTTACTTGTTATGCACATGTTCTATT
ACATAAACTAGTTAGTTGTTTTGATATATTTGAGTGGTAACTATAGTTTTCTGACACTTCAATTGACTGCACAAG
TTTAGGGCCTTTGATTTTGAATGTAAGGCCAAGTAAACAAACTTGTAATTGTGCATCTATAAGCTAAGCCTT
GCTTGGTTTCTTATCCGTTTTGATTTGTCTTATTCTTATTGAAAAGCATGTTTTGTTGGATTCTTGCACTCATCC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3872 AF428438|Arabidopsis thaliana AT3g13120/MJG19_6 mRNA, complete cds

GTCCTGTGCCATTACCTACAAAAAAGCGCATTTATTGTGTTCTTAAATCCCTCATGTTTCATAAGGATGCAAGA
TTCCATTTTGAATCAGAACCCACCAACGCCTCATTGATATTTTGTACCCTACCGCCCAAACGATTGATTCTTTG
ATGCAACTCGACCTTCCAGCTGGTGTGACGTGGAGGTCAAGCTATGAAGAGAACAGCTTCACCTAGGTAATG
GGTTTCTGAGGATGTAATACTTAAATATATCAGAGCCTGAAATTGTGTAGACGGTAACTGTGGAACAGGTCA
TAGAAGCGATAACTGGTGCTTACAGTATGCTTCTCTTTGCTTGAATTTCTGTGCCAACTTGAAATGGGAGCAA
TGGAATATAGGACTGTAAATCACAATTTTCTTTTGTAGTTCTTTGCTGCTTTGCAGTCTCTGTCAATCATT
TGTATTAACCTGTTTTGTATTTTTTTGGGTACTTAATGGAACAATGAAAATAGTTGAATTCATGCATCAACCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTA
ACCAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGCCCCCAACCCCAATCCCCCAAAAATAATCCAAATAACCCCCCCCCC
TGCCCCCTTTTAACAACCCCGGGCCGGA

>trans_s_3873 AY196093|Brassica napus cytoplasmic ribosomal protein S14 mRNA, complete cds

CTCTTCCACGGAGATTTATCACGTCGAGGGAGGTTGAAGGTTTCAGACAAAGTCTCGAAAACCTAATCTCCA
CTTGCATCTTCCAGTTTATTACTCGTCACCATGTCGAGAAGGAAGACTAGAGAGCCCAAGGAGGAACTGTCA
CTCTTGGCCCTGCTGTTTCGTGAAGGAGAGCATGTCTTTGGCGTTGCTCACATTTTTGCTTCGTTTAATGACACTT
TTATTCATGTAAGTATGCTGTCTGGTCGGGAAACACTTGTCGCATCACTGGTGGTATGAAGGTGAAAGCTGA
TAGGGATGAGTCGTCCCCTTATGCTGCCATGCTTGTGTCACAGGATGTTTCTCAAAGATGCAAGGAACCTGGT
ATTACTGCTTTGCATATAAAGCTCCGGGCTACCGGTGGAAACAAAACCAAACTCCTGGACCTGGTGTCAAT
CGGCTCTTAGGGCCCTTGCTCGTTCAGGCATGCGAATTGGCCGCATAGAGGATGTAAGTCCAATCCCCACAGA
CAGTACTCGTAGAAAGGGTGGCAGAAGAGGAAGAAGGTTGTAATTCCTAGGCTCCTTACAAATTGTCGATCT
CTTACCATGGATGTGGTGGCAGTTGAATACCATAGTTTTAGAAGAAAGGTTGCTCTTACTTATCTGCTAAATTG
TGTGAACCTTAATGTTCTGGTAATTGCTTCTCTACCAACATTTTTTTTGCCATTTTGATTTCATGGAATACCTCAA
AGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3874 HQ014606|Nicotiana tabacum small molecular heat shock protein mRNA, complete cds

ATCATCCAGAAATCATCCAACACGATAATTCCCAATTCTATAAAACATTCTCTTTCGATCAGATTTACTTCCAAC
TTCTAATTCAACTACCATGGCTCTCATTCCAAGCATTTTCGGTGGTCGCCGAGCAACGTCTTCGACCCCTTCTC
ATTGGACATTTGGGATCCCTTCGAAGGCTTCTCCTTTCAAACCTCATTAGCCAACCTTCCCTCCTCTGCTCGCGA
AACCTCTGCTTTCGCCAACACCCGCATCGACTGGAAGGAGACCCCAAGCCACATCTTCAAGGCTGATCTTC
CCGGAATCAAGAAGGAAGAAGTGAAAGTAGAAGTGGAAGAAGGCAGAGTTTTGCAAATCAGTGGAGAGAG
GAGCAAAGAGCAGGAGGAGAAGAATGACAAATGGCATAGAATTGAACGGAGCAGTGGGAAGTTCATGAGG
AGATTTAGGCTGCCCAGAAATGCTAAAGTTGAGGAGGTGAAAGCCAACATGGAGAATGGAGTTCTGACTGTG
ACGGTGCCTAAAATGGAAGAGAAGAAGCCTGAGATCAAGTCCATTGACATCGCTGGTTGAACCTTACAGTGT
TCATCCTGAGTACTGAGTTCTGGGTTTTGTCTCTGCCTCTGTTTGTTTAATATACTATGGAAGAATGAGCTGTGT
TTATGTGTTTTGTGAATGTTTGTAACCTTTGTAACACGATAAGTGTGTTGGTTGTGTTAATGAGAATAAATATA
ATCTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3875 NM_001069800|Oryza sativa Japonica Group Os09g0437500 (Os09g0437500)
mRNA, complete cds

AAGACTTTTTCTTTTTCCCTTCTTCATTATTATAAACCCAAACGCCTTCCCCATCTTCTTCCAAATCTGGCAC
ACAGTGGGACAATAAATAATCATCATTAAATTAATCAACAAAAAAGAAAAATATGAGTTTCCTCCAAAAAT
TATGGGACGAAACCCTCGCCGGTCCAGCGCCGGATTCCGGACTCAGTCGGCTGCGTAAGTATAACTCCTTCTC
CGCTCCAGATCTCCCCCGATGTTATCCAACGACGTCCTATCGAATAACAATAGTAATAATAATATTCCACCGA
CAATCCAAATCCCTAGCCCTACGCTTTCCAGAGTCCCACCTCTTCCCTGAATCGCCGATGCCCGCACCATCTA
CGCCGAGGACTCCCCCTCCACTCCGCCGGAGACGCCGCGATCAGGAGAGGATCATGTGAAGAGACTTGGGA
GAAGAAGATCGGTGGATTATCCTGGACGCCGTCTCTGGAGGGACCTGAACAACTAGTCCTTCTGTTTATGA
TTGGATCGTAATAACTGCGTTGGATCGTTGAGGAACAAAAGAAGAGGAGAAATGAAGAAAGTTGTAAATTTG
AGGAGGGTGAAAAAGTAATTAACATCTCTTTTTCTCTCAGTACTACTAACTCGTATGTTAGATATTAAGGG
AAAAGGAATTTGGAGGATGTAGACAACATATATATATATATATGTAGAGAGTATAATAATTAGTATATAAG
AGGAGGATGGAGGATGGAGGATGGAGGAC

>trans_s_3876 NM_001056502|Oryza sativa Japonica Group Os03g0322500 (Os03g0322500)
mRNA, complete cds

AAGATATAAACTCAGGACTCGACTCTCAGTTCTGAGCTCTCACATTTCCCACTCTCTTCAATTTCCATGGCAT
CTTCCGAGCAGGAAGCGGCTCTTGACGCCGTTCCCTCCGATTCTCCCACCATATTTGACAAAATCATTAACAAG
GAAATTCATCTACGGTGGTTTTTGAGGATGACAAGGTCCTTGCTTTCAGGGACATAGCACCCCAAGCTCCTAC
ACATATTCTAATCATTCCAAAAGTTAAGGATGGATTATCTGGATTATCTAAGGCTGAGGAGAGGCACACGGAG
ATTCTTGGCCACCTTCTTACACTGCCAAGCTCATTGCCAAACAAGAAGGACTGGACGATGGCTTTAGGGTTCGT
AATTAACGACGACCAAGTGGATGTCAATCGGTTTATCATCTTCATGTTACCTTTTGGGGGGACGACAAATG
AATTGGCCCCCAGGTTAAGATAGAGACTTTTATTAACGTTGAAATATAGAGCTAATAAACCTATATTATCATT
ACCTATTCAAGAACTTTGTGGACTACTGCACGTGCCTTGTGGTGTCTAAGATCCTATTGAATATGGTTAATTGA
TGTAAGTTTGATGACTATTGTTTTGTTTTCTGAATGTCTAATTGAAAATGGATGGCTATCTTTCCTCAGAAAG
GGAAATGTATGTATGTGGGTTTATATCAGAACGATGTTGAGTTAAAAGGAAAGAAAAGAAAGATTGGGCCTC
ATTTTGGCATCAAGAAAGTGTGGAAC

>trans_s_3877 AF261940|Spinacia oleracea Alvaro ribosomal protein 5 precursor (Psrp-5) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AGAGATAGTGAGGGGCTCCAGTTCACGCCATGGCTTCGTTTCTCCTCTGCTCCAATCCCCTCTCCACCTCTTTC
CATTTTTCTACGTTGCACCCATGTTTTCCACCCACTTCTGCCATCCCTAGCTCTATGTTGCTCATGAAGCCTATTG
GGTTTCAGCCAAAAACCTTTAATGGAGTCCGGCTACGGAACCACCCTTTTGTGAAAATACAGCATCGTTAGTT
GTCAAAGCTGCATCTGAGACTGATGCTACGGGAGAAATTGATAGTAGTGAAGTTCAGCCCGCTGCAGAAGCT
AAAAAGGAGGATGTTCCAGTTGATAAACTTCCATTAGAATCAAAGTTACAAGAGAGGCTGGAACAGAAGGCA
AGAATGAAGTTAGCAAAAAAGATTAGGCTACGGAGGAAGCGGCTGGTTCAGAAACGCCATTTGAGGAAGAA
GGGACGATGGCCTCCATCAAAGATGAAGAAGTTGAAGAATGTTTGATAATCCTTTTAGCTCCTTGAATTCAATT
CTTGAGATCGAGAGATGCCATTTCTGCTCATCGCTTCCAATTTACTGTCTTATTTCTTTATGCTTTCAAGGAAA
TGATTTTGCTTCTTAATATACCTGAAAGGATCCAGTGAGTAATGAAATGTGCAATTGTTCTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3878 L38829|Nicotiana tabacum SUP2 mRNA, 3' end of cds

TATGATGAGATAGAGTCCAAGATGGCACCTTCTTGAGGTCTTCTGGTTACAATGTAAAGAAAGATGTCCAAT
TTTTACCTATATCTGGTCTTCATGGCGTTAATATGAAAACAAGAGTGGATAAGAAAGTATGCCCATGGTGGGA
TGGTCCGTGCTTCTTTGAAATCCTTGATATGATTGAAGGTCCACCAAGGAATCCAAAAGATCCATTTAGGATGC

CTATCATTGACAAGTTCAAGGACATGGGAACAACCTGTGATGGGTAAAGTGGAATCTGGTACTGTTCTGTGAGG
GAGATTCCTTATTGTTAATGCCAAATAAGATACAGGTGAAAGTTACTGCTGTGATGTGTGATGAAAATAAAGT
TCGGAGTGCTGGACCTGGGGAAAATCTTCGTGTTAGAATATCTGGAATTGAAGAAGAAGATATAATGTCTGG
GTTTGTACTATCAAGCATTGCGAAGCCAATACCCTCTGTTTCTGAGTTTATTGCACAGTTGCAGATTCTTGAGCT
GCTGGATAATGCAATATTTACAGCTGGATATAAGGCCGTACTTCACATTCATGCTGTTGTTGAAGAATGTGAG
ATCATAGAGCTGCTACAGCAGATTGATCCGAAGACTAGGAAACCTATGAAAAAGAAAGTTCTCTTTGTCAAGA
ATGGTGCAGTTATTTTGTCCGTGTCCAGGTCAATAACTTGATCTGCATCGAGAAGTTTTCTGATGTTCTCAG
CTTGAAAAATTTACTCTTCGTACCGAAAGGAAA

>trans_s_3879 NM_001064573|Oryza sativa Japonica Group Os06g0608300 (Os06g0608300)
mRNA, complete cds

TGTTACAGCTGATGTTGCTCAACCAGGGACTCCAGCTTACATTGTCAAGGCATTTTTACCCGTTATAGAATCTTT
TGGCTTTGAGACGGATTTGCGTTATCATACGCAAGGCCAGGCTTTTTGTCTCTCTGTGTTTGACCACTGGGCCA
TTGTTCTGGCGATCCCTTGATAAGAGCATCGTTTTACGGCCTCTTGAGCCAGCACCAATTCAACACCTTGCT
CGTGAATTCATGGTGAAGACAAGGCGTAGAAAGGAATGAGCGAGGATGTGAGCATAAACAAGTTCTTCGAC
GAGGCAATGATGGTCGAGCTGGCTCAGCAAGCAGCTGATCTTCATCAACAAATGATATAATTGAAGCTCATCC
AAAAATGTTTGATCTGATTTGTTGGTGAATCCAAGTGTTGTACAATAGTTATTTCTCTTCACTTCTCCCATAT
CCTGCCTTGAGTCAACAACCATCATTCTTATTATATATTAGAAGATAGGCAAGCAGACTCAGATTTGTAGATCT
TATCTTCAGAGAAGTTTCTTTGTCTGCTAATTTAAGGGATTTGAAGCTGAATACATATTTTAGGAATTTATA
CTGTAATGTTTAGAGTATGTATTAACCTTGTAATGTGAAACCAGGAAGGCAGATTTGGTTGCATTTACATGTTT
AGAATGGAAATGAAAGAATTAGAATCAACCTCCTTGAGATTAGCTAATGATATATTCATGTCTTGTTGGTTAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3880 AY429440|Gossypium barbadense fiber protein Fb19 mRNA, partial cds

AAAATTTGTCCATCTCTGACGCAGACCCAAAATTCTTGAAGCTTTCCTTTCAATGGCGACAGGAGAAAAGCAA
GTTATGGTTGTCGGAATTGACGACAGTGCGCACAGCCTCTACGCTCTCGAGTGGACGTTAGACCATCTCCTCG
TTCCAATCTCTCCGTTAACTCCCATTCAGCTCATCGTTGTTACGCCAAACCTTCCGCTTCTCCGCCATCA
GTCTCGCCGGACCTGGAGCCGCTGAGGTTTTGCCCTATGTGGATTCCGATTTGAAGAAGATTGCTGCGCGAGT
TATCGAAAAAGCGAAGGAGATTTGCCTCGCTAGATCGGTGCATGATGTTGTGTTGGAGGTGATAGAAGGAGA
TGCCAGGAACGTACTTTGTGAGGCCGTAGAAAAGCACCGCTTCTGTGCTGTTGTTGGGAGCCATGGCTAT
GGAGCTATAAAGAGGGCTGTTTTAGGGAGTGTTAGTGATTATTGTGCTCATCATGCTCACTGCACCGTGATGA
TTGTAAAGAAGCCCAAACCAAGCACTAGATCTCATTTGTATTTTGGTCCTTTTGTGCGAGAGTGATAACTAAAG
GGATCCCAAATGATATAGTAATTTGGAGAATCTACAGATTTGTATAATCATCAAATAAAATTAACAGTGA
AGGGGTGTTGTATTTGATACGAATTGTGAATCCCAAAGCTCTGTAATAATAAAGCTTCCTTTATTTGTGTA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3881 XM_002872755|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AGGTGGATGGATTATCCACCCCATGCAAAAAATTTGATGCATCCACGTGATCGATCCGTTGCTACGTACAAGG
GTCATTCAGTCCTGCCAACACTTATTCTTTGTTATTTCTCCCCGAATATAGCACCGGTCAGAAGTACATCTACA
CTGGGTCTCACAATTCTTGTTTATATCTATGATATGTTGACTGGAGTTCTAGTTGCAACACTCAAGCATCATA
AATCACCTGTAAGAGACTGTAGCTGGCACCTCAATATCCAATGCTTGTAAGCTCTTCATGGGATGGGGATGT
AGTCAAATGGGAATTTCCAGGCAGCGGTGAAGCACCAACTCTCCAACAAGAAGAGGGTCCGCAGACGACA
TTTCTATTGAAGACTGCTATAGAAAATTGTAAGCCAAGCTCTTCTGTCCTTTATAGCTTGGCAAAATAGTCTT
GCAATGGGATGCATGCATCCTATCTTACTGTCAAAAATAAGATGCAATTAGTATTTAGTATGCTTTTTAATCTCT

CGCGGATGCAATATTTTGTCTTCTACTTGAAACGAATCTTTGATATCATGGTCTGTCTGGAATCTATGTGA
AAAATATGATATATATAGTGTATAATAATGTTCAACAAAATGATGATATATATAGTGTATAATAATGTTCAACA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3882 XM_002882884|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyltransferase family 14
protein, mRNA

AAGGGTCTTGGTCCGAATTTGAACAGCTTGGGGTTGTTATTTGGTGCCTTGATCTTATCAAAATATTGGGAAAT
CGCCAAGACCCTGCCGGCTAGAAATGGTTAATAGAACTGGAGTTGAAATCAACCCATGATAAGATCTTGTGA
TGGGGTCTTGAACCTGGAGAGGAAATGGCTGTTTCCTCTTGTGATAAGCTCTCTCATATGCATATTCCTTCTC
GTCACCTTCTTCAACATGGGTCTCGTCTCTTCACTTTACACAATCAACTCGCTTTTTGCAATCTTTCCCGTCGAA
TGACTATGGACAACACAAGTGTGTTTTGCTGAATCGAAGATTGCACAACCTTCATCTCTGCGGGACCAACA
ATCCCTCGCTTTGCTTATTTGATTTCTGGGTGCAAGGTGATTTGAAAAGCTATGGAGAATCCTTAAAGCGTT
GTATCACCTTTGAATCATTACGTTGTCCACTTGACCTCGAGTCACCAGCAGAGGAGCGATTGGAATTGGCTT
CGCGAGTGGGAAACGAGTCACTTTTTGCCGAAGTTAAGAATGTTTTCATGATCAGCAAGGCCAATATGGTTAC
CTACAGGGGACCTACCATGGATGCTAATACTCTTCATGCCTGTGCCATTCTTCTTAAGAGGAGTAAGGAATGG
GATTGGTTTATCAACCTCAGTGCTTCTGATTATCCTCTTGTGACTCAAGATGATCTTCTTTTACGTTACAAATT
TAGATCGAAACCTCAATTTTATTG

>trans_s_3883 AY106168|Zea mays PCO134793 mRNA sequence

TTTTCTTCACCTTCTATTGTCTTCGTCTCAAAGTCCCAATCGTTGACGTTTCTGGTTTCTCCATGATCAGAATG
CTCTGGCGGTTGGAAACCTCAACTTTCCCACTCAATTGTGCAGCAAATGATCAGAATGTATGATTTTGACAGA
AATGGAACCTATGAGCTTCGAAGAGTTCGTAGCTCTCAACAAGTTCCTCCTTAAGCTTCAGCAAGCCTTCTCTGA
CTTGAAAGAGGTCGTGGTTATCTAGTCCAGATGATGTATATGAGGCTTTGGTTAAAATTGGCTTCACGCTG
GACTCTCCAGCTTTTATACTGTCTGCGAGAGCTTTGATCAAAAAGAAAATGGGAGATTTTCGGCTAGACGACT
TCATATCTCTCTGTATATTTGTTCAATCAGCTGGGAATTTGTTTAATTCCTTTGATACAGCAAAACAAGGCAAGG
GGAATCTAGATCTCAACCAATTTGTCTATTGCACTGCTAATTGCAGAATATGAAAGTGAAAATATTTGACGAA
GAGGGGAGCATACCGTAATACTAGAATGGTGGTTCCATTTTCATACCGTAATGCTAATTGCAGAATATGTGC
AACTTTGGATCTAGAATGTGGTATTTCAACTGTGAATTATTTTTCAGTAGCATATGTATCGTGTGTTTATC
TGTTGGTTTGTATCATTGTCTTTGACGCTGGAAAAAGCTCATGTGATTAGAGTACCATTAAATTCATTTCTATACC
TCTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3884 NM_101055|Arabidopsis thaliana ATGLX1 (GLYOXALASE I HOMOLOG);
lactoylglutathione lyase/ metal ion binding (ATGLX1) mRNA, complete cds

GGCACTTTCTCTCCCTGTAACATTCTAGAGGCGCGCGGACACTAAGACTCTAGTCGAGTTCAGTTGCTATGG
CTGAGGCTGCTGCATCTCTTGTCTCCGAATGCCGAGTTGTTGGACTGGCCTAAGAAAGACAAGCGTCGGTTTCT
TCATGTTGTGTACCGTGTTGGTGACCTTGACCGTACCATCAAGTTCTATACTGAATGTTTTGGGATGAAATTAT
TAAGGAAGAGGGATGTGCCAGAAGAAAAATATTCTAATGCTTTCCTTGGATTGGCCCAGAAAGATTCTAATTT
TGTGGTGGAGTTGACGTACAATTATGGAGTTAGTTCTTATGATATCGGGACTGGCTTTGGCCATTTTGCTATTG
CAACTCAAGATGTATATAAACTTGTAGAAGATATACGAGCCAAGGGTGGGATCATTACCAGGGAACCTGGCC
CTGTCAAGGGAGGATCCTCTGTTATTGCCTTTGCAAGGATCCTGATGGTTATATTTTGAACCTATCCAAAGG
GGTCTACTCCTGAGCCACTCTGTCAAGTAATGCTTCGTGTTGGTGATCTAGAACGCTCTATCAAGTTTTATGA
GAAGGCCTTGGGAATGAGGCTATTAAAGAAGGTTGATAGGCCAGAATACAAGTATACCCTAGCCATGATGGG

ATATGCAGATGAACTAGAGACAACAGTGCTAGAGTTGACTTATAATTATGGTGTGACAGAGTATACCAAGGG
AAATGCATATGCTCAGGTTGCCATCGGTACTG

>trans_s_3885 NM_001185818|Oryza sativa Japonica Group Os01g0954400 (Os01g0954400)
mRNA, partial cds

AAGATCGTAAAGACAAACCCTCGTGTACTCGCTATGTCTTCTCCGGAATCTCTCCCAAAGCTCCCAATTGAC
AGATGCGGTTCAAGGACTAGTTCTTAGCGATCAGAGCGATAAAGATCGGAGGGTTATGACAACCTTCTCCGG
AATCTCTATCCAGAGCGCTGAAATTCAGATGCCGTTCAAGAACAAGTAACTTGCCACCAGTTGGAAATGGGA
AAGAAAGTAGAGATTCAAGGAACGGGGCATGGTAGTCACGATGGGGCTTGTGCAATTTGCTTGAATAAGATA
GCACTTCAAGAACTGCTTTATGCAACTTGCATCCTTCGGTGGGCCTCATACACTCAAAGCCGACTTGTCCAC
AATGTAAACATCTATTTGAGTTCCTGATCGTTCATCGTTCTTCTGATGGGAGCATCCACGACTACATGTTTGAG
GAGAGTGTATGCCTGCTTCTGAGAGCTTCGTGGTATAAACCTCTAATCTTTGAAGAACGGGAGGAAACGTATG
ATGATCCTGAGGACGACCAATACTATCATGATGATGATGAAGAGTTAGAGGATGCTTACCTGGGTGAATCACC
ATCTCTCCGCATCGGGAATCGAAGGTGGGGATACAATGGTTACGTGAGGGCAGGTAGACAGGAAGCCCGAC
CAGTTCTTAGGCAGGAGTTTACTGGAGGACCAAGTTCATCGAGGGATCCCGTAACAAACAGGCCTCCAAAGA
CAAAACAGGTCGACGTGCTAAAGGGCCTTGAAACG

>trans_s_3886 NM_001070184|Oryza sativa Japonica Group Os09g0513200 (Os09g0513200)
mRNA, complete cds

TTCTCTTTTCTTTTCCAACAACATCTTGAAAAAGTCAGCATAAATTCGCATTCAAACGGCTGCAATCATTCTC
TTTAGTTGGGTTCTGTGATTCATCTCTCAATTTGGTTATTTTCATCCGACTGTGGGATTTGTCTGTTCTAATC
TTGTTTGAGCGTTAAACAAGAAGATAATGAGAAGTTTCAAGAATTTTGCACGAAAAAGACCCTAATCGGTCT
TGGGCTGGGACAATTTCTATCTCTCTTATCACTTCCACTGGCTTTCATCCTCTGAACCTGCTAAAAGAGGAAT
TAACGCACCAACTTCACAGTCCTTCATAAACTATGTCCTCTTGCAATTGTCTATGGAAGTATTGTGCTCTACCG
TAAGAAAGCAATCAAGGCAAAATGGTACTTCTACATACCACTAGGATTGGTAGATGTAGAAGCCAACTACCTT
GTTGTGAAGGCCTATCAGTACACATCTCTAACAAGTGTCTGCTGCTGGATTGTTGGACAATCCCTTGTGTTAT
GCTGCTAACCTGGCTTTTCTGAAAACAAATACCAGATTACAGAAAAATAGCTGGTGTTGTTGTTTGTGTTGCC
GGCCTTGTCTATGGCCATTTTTCTGAAGGTCATGCTGGTGACCGATCTGGAGGCAGCAGCCCGCTTAAAGGGG
ATGCTCTTGTCTATAGCTGGTGCTACCTTTACGCTGTTACTAATGTCAGCGAGGAATTTCTGGTGAAGAATGCT
GACAGAGTGGAGTTAATGGCTA

>trans_s_3887 NM_001084127|Arabidopsis thaliana PFT1 (PHYTOCHROME AND FLOWERING TIME
1); transcription coactivator (PFT1) mRNA, complete cds

ATCTCAGACTTTACTGCTATCCGTTTCTGATAAAGCTTGCCGCTTGATAGGGATGCTTTTCTGGGGATATGG
TTGTGTTTAAAGCCTCAAATATCCAGTCAACAGCAACAGCAGCATCAAATGCAACAACAACAAATGCAACAACA
ACAAATGCAACAGCAACCTCAACAGCAACAGCAACATCAACTTTCTCAGTTGCAACAACATCAACTTCCTCAGA
TGCAGCAACAGCAGCAGCAGCAGCAGCAACAACAACAGCCACAACCTTCCTCATATGCAACAACAGCAACAGC
AGCAACAGCAGCAGCAGTCACAGCTTCTCAAATACAACAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAAAACACAAT
TATCACAGCTTCAAAGCCAGCAGCAACCACAACCTGTCACAGCTTCAAAGCCAGCAGCAGATTCCACAAATGCA
GCAACAACAGCAACAATGGTCGCGGGTGGAATGAGTCAATCTTATGTCCAAGGAGGGCGATCTCAGTTAGT
TTCACAGGGACAAGTCTTCCAGGGTCAATCTAACATGTCTGCTGGAACTTTATGGGTTGATTTGAACATT
CTAATTTACCTCTTAAGTCTATTGGTTTTGTTGGGAATCTTGGTATTAATAAACAATTTTTTAATCGATTTAGTGT
AATTATCTTGTTTTATAGTGAGTTTATGTATATATGACACAGTGGTTCCAGTAACACTTAACAGAAGTTGTTTG
GTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3888 DQ887086|Arachis hypogaea ubiquitin-conjugating enzyme mRNA, complete cds

ACTCTCTTATTCTTATTATTATTTTTTTTTGGGTTTCCTCTCCGCAATCGAGGAGCTCGAAGAGGCTCGCCGAA
TCCAAGGATTTTTACAATCTCCCATGGCTGGTTCTCCAGCTAGGCTTCCCCTCCGAAACAACCTAAAGATCTCT
GGAAAAATCCCGGTGAAGGATTCCCCGCCGGTCCAATGGAAGAAAGCAATATATTTGAATGGAGCGGTACCA
ATATTGGACCTCCCGATACCCTTTATGAAGGGGGGTTCTTTAATGGGAATATGAGTTTTCCATCAAATTATCCA
AATAGTCCTCCTTCCGTGAAGTTTACTTCTGAGATTTGGCATCCTAATGTTTATCCTGATGGGCGTGTTGTATT
TCAATCCTTCATCCTCCTGGTGATGATCCCAATGGCTATGAGCTTGCTAGTGAGCGTTGGACTCCTGTTCATAC
GGTTGAAAGCATAGTTTTGAGTATTATATCGATGCTATCAAGCCCAAATGACGAATCACCTGCAAATGTTGAA
GCTGCTAAGGAATGGCGGGACAGGAGAGAAGATTCAAGAAAAAGGTAAGTCGCTGCGTGAGGAAGTCACA
GGAAATGTTATAAGGAAAGTGACGCAGGCAAGTGCAGCTTTTGGTTTGTCTCTTCTGCTTTTTGTGGCAGT
GGGTGTTTAACTTTATCTTTGCTAAAAGGGGACTTCACCTGTTCACTTTGGTGGTACCAGTGGGGGTCTTGCT
TGTAAGACGTCAATGGAGCTATCACC

>trans_s_3889 NM_001070104|Oryza sativa Japonica Group Os09g0498800 (Os09g0498800)
mRNA, complete cds

AAGTTTTGGCCGGCATACTCACTCTCACTATGTTTCGTCATGCTTGGCCATATGATCAAGCGAGACCACTTTGAT
TCCGTTCAAGAAAAATTTCCAGGGCCAATAAGGATGCTACAAAAGTAACAACAATGCGCAGCATCCACAAAA
AAAGTGACGTTTCAGTTGAAAAATGATGTGCTAGAGCTAAAACAATGTTGGAGTAAACCCGAATCTGATGAGG
GGCAGGAATCAAAGGGGTATGTCACCTTTTTCATTGACTGATGGTCCTGAATACCATGTCTCGCAGATTGCTGA
TGCCGTAGTTGTGGCTAGATATCTAGGTGCGACTCTTGTTGTCCCAGATATCAGAGGGAAAGAGCTGGGAGA
TAAATGGAACTTTGAGGATATTTATGATGTGCGAGAAGTTCATTGGAAGCCTGGAAGGAGTTGTGAAAGTAGT
AAAACAACTGCCATCTGACATCTCTCAAAAAAGATTTGGGCTGTTAAAGTACCAACCGAGTTACAGCAGATT
ACATTTGGAACATGTTGAGAAGGTTTTTAAAGAAGTGGCAACATAAGACTCGCAACTTACTTCCCTTCAGTA
AATATGAAAAAATCATCCACATCAAGTGATGGTGTATCAGTTCCATGTTTGGCAATGTTTGAACGTTGGAGT
TGCAGCCAGAAATAAGTGAGGTGATTGAATCCATGATGGAGCGGTTAAAACTTTGAGTCGGAAGTCCAATG
GTCAGTTCATAGCAGTCGACTTGAGAGCCAGGGC

>trans_s_3890 XM_002868773|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata seven in absentia family protein,
mRNA

AGTCGTCGAGAATACGTGGCGGTCTTACGCATACACAATCTTCGTCCTTCTCGCGAGCGAAGGGGAATCGACA
TGGCGAAGTTTTCGGTTGATGGAGAAGAGGATGCCGGCGATGGACCCAGTAGCCCCAGGGGGAAGAGGAA
GAGATCCTCTTTTCGAATCAACGCCACTGATGATTTTCCCCGCCGTAGCGAACAGCGGGAACAAGGAGAAGA
ACAGGGTTTCAATTCCGACAAGGAAGAAAGTGAGAATGATGAAGATCAGAGCAAGCGTCACCGAAATGATG
AAATAGAGGAACATCTTCGAGAAGACGGTGGTAAGAGAGCACTTTGGTCGGGTAAGTCGTGTACTAAAAATG
CGAAGCCAAATGGTTCGGTTTCGATGTTCTTGATTGACCCAGAAGTGTTGGATTGCTCTATTTGCTGCGAACCT
TTGAGCATCCCCATCTTCAGGTCTCTTCTTTCAACGTCTTCATACATGTTCTCTTGCAATTAGTTGTAATTTT
GTAGTTGATCGTGGTCTGATTCCTAATTGGGTGTTTAGTTCATTGGTCCTCTAGTGTATTGGGCTTACTTCAATT
GAGACTTTAAGATGAAATGGAAGCCATAAATTTGTAATGTAAAAAAGAAAGAAATCTTGGGTTGATAGTGCTT
TGTGTGTAATTCGAAAGCTGGGATTAGAAGAAACATTGAAATTCTTAATAACCTTCCATCAAATTGAGGCGA
TAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3891 AC183493|Brassica oleracea Contig B, complete sequence

TAGTTTCCCAGAGGAAGAGTCAATAAAGAAACGGAAATTGAGCTCTTCAAAGGAAGCACAAACCAATGACTC
TGGTGCTTCAGCAACACATCACAAGTCGTCATCATCAAATGGATACTACGACGACTACAAGCCAAAGGCAGCC
ACCACAATGGTGACGAGCAGTCGTGGAAGGAGTAGTGCCACTAGCGCCACCTCACTTGATTGTGAATCGAGT
GACGACGATAGACATTTCAAGAGAAAGCCATCTAGGTACGAGCCATCACCACCTCCGCCATCAGACTGGGATC
AGGAGGAATCAAGACATCCCAGAGGCTCAACAAGAGATCGAGAACGGGAGCGAGAGCGAGAACGTAGTAG
CTACAGCAAGCATAGATAGTAGTTCGAGGGGATCGCTTCCAATCAAGGCACCCAAAGAATGCAGAGACCTCT
GCCAATGTGGGGTAGTCCCATGGAGATGTGCCTTGCCGCTTGGGTTCAAAGAGCCATGCTCCGCTCAGCTCTC
CTCAGTACGAGGTGAAGAAATGCTGTCCAAAGCTCCAAATTGATTTGTGTATTGGGTTTAAGTGAAAACACAA
GCATATATGTGTTTGAATGAGATTGCCGCTGTCTTGGGATAAATTCTGTAATAGATAGAGGCTTGTACTGTTT
CAGCTGCTTCTGTATTTGCTTGTCATAAATTAATAATATACGGATGAAAATCATCATTCTCTATTTCTTTTAAT
AATACATCTTTCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3892 NM_124280|Arabidopsis thaliana OVA2 (ovule abortion 2); ATP binding / aminoacyl-
tRNA ligase/ catalytic/ isoleucine-tRNA ligase/ nucleotide binding (OVA2) mRNA, complete cds

CCACCACTCAAACCTTCTCATCTTTAGCAATGGAGGGCAAATACCGGGTGAAAAGAATGGCACTATAGTCAAAA
AATCAATATCCGTCATCAAGAGTCTCAGCTGACTGCTGCCATGGCTGGTTCTGGGTGGCCAGCAACGACATTG
AAACAGCGCTTGACAGAGAGTTGGATGTTCTGGGAAAGACCCTACTCGTATCGAAAAGTTCCAACATCTTTCAC
ACTTTGAACCTTCAGCACGAGACACACCAATCCAGACTTTGCTGCCACCAATGAGGCACTCTCCAGTGTATGGT
ACGTTCTCTATATGCTCATTCTCTACGGACTGATGAACCTCAACCTGAGATGTAATGAATATTCTTTGCAAAGT
GTCTGCATCATGGTTAGATTCACACATTTACACAACCTTAGAAGACAGACCATCTGGGGTATGCAGATGGACT
TTAGCCTCTAAGCTTGAACCAATCAACTTTCCGGTTCGAGCAGCTCCAGGACTTTATTCACCTCGGTTCTTAGC
TCAAGAATATTTGCCAGAAATCAATTTCTCTTTGGGAAGAGAAAGCCTAGTCTTGTTTAAGCTAGGCCACCT
TGATTCAAAGACAAATTTGGCAACAGAACCATCATCGTTTGTGTGTTGGAAGGGAAGATTCTGCCACACATCC
TCAGCCAAATGAGGCAATATTGGAGCGATTATTCTTGCTATGGAAACGACATGCGCTGCTAGAACTGTCTGAC
AACTTCTCCTAGTAAAACTTGTGGATCC

>trans_s_3893 AY136461|Arabidopsis thaliana expressed protein (At3g57785) mRNA, complete cds

CTCTCTCGCTGGATCGCCCGCACAGTCGCTGAAATCGAAGGATCAACCCGAAACGCCCTCGCCGACGCCGACA
AGTGCTGAAATATGCTCCGACACCGCTTTCTCTCTTCACTCCGCACCCGTGGTGGAGCCGCCCGGACGGA
GCCGGTGGACAGTCCCGGTACGAGGAACACCCCAAGGGCTATCTTTCAATCGGACACCGCCTCCACCAGG
TCAGTCCCGTAAATGGGAGGATTGGGAGCTTCCTTGTTATGTTACTAGTTTTCTTACTATTGTAATTCTTGGCGT
TGGCCTCAACGCCAAGCCTGATCTCACAATTGAGACTTGGGCTCACCAGAAAGCCCTTGAGCGCCTTGAGATG
GAGAAGCTGGGTATATCTGGCTCTGGATCATCTGAATCTGATTGAATTCGTGATCCTTATGCACTTTTGGGAA
CTGGGTTGTCTTATTTGATTCTCCGTTGAAAAGGGGTTTCGGATATATGGTGGGTTTCATGAGATGGTGTG
ATATCCTGTAGTTCAATAAGTTTTCTACATGTTTTCTGGCTCCTGTGGAGCTTCAATAACTGGTTTATTTT
ATCATTAACCTCGGACATATTTGACGTAAATGTCAAGTATTTAAGAATTTAACTTTCTGCTATGTTTCAATT
CA
GCTTCCAATGTGAATTATATACGGATTCTCTAGTAATTTAGTTCTGCTGGAAGTCTTATGACGAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3894 XM_002879434|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleic acid binding protein, mRNA

GCCTTTTCTTCATTTGCACTCCTCATTTCCAAAGTCGCACTTACAGAGAGTGAGTTTTAGGGTTAGGGTTTTAG
GTTTCACTAAAAGCTCAATGGAAGAGATAACCGAGGGTGTCAACTCTATCACATTAACAGCTGATTCCAGAA
GAAGAATCGAATTCAAGTCTCCAACACCAAGAAACCTTATTCTTCTATGTTAATCTCGCCAAGAGGTATATGC
AGCAGTACAATGAGGTTGAGCTTTCTGCCCTTGAATGGCCATTGCAACTGTTGTTACGGTTGCGGAAATTCT

GAAAAACAATGGACTGGCTTTAGAAAAAGAAGATTATGACTTCTACTGTTGATATCAAGGATGATTCTCGGGGG
AGACCAGTTCAAAAGGCTAAGATTGAGATTGTGCTGGGAAAAACCGAAAACCTTTGATGAACTGATGGCTGCT
GCTGCAGAGGAAAGGGAAAAACGAAGATGGTGAAGAGCAGAGTTGAAAAGCCTTTTTTTTTCTTTTCTTTTC
TGTTCTTATCCTCCTCGTGGATGAGGCTAGTTGTTTCCTTTATATCATATCTGGTCTCTCTGTTCTTAATTACTAA
ACAAGTGGTTCATTTAGTGATGTAGGCTTTTTAGTTGTGGGAACAGCCTTTTTAGTTACCATGGGACATCTTTA
TTTAAGAGAATGGAAACATAATCTGAATTACCCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACATGCTACAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3895 NM_001066827 | *Oryza sativa* Japonica Group Os07g0619200 (Os07g0619200)
mRNA, partial cds

GAAAGCACAACCTACACTTCAAAGCTTTTTACAAGCAAATAGGGAGAGCAAAAGAAAAAAAGGAAGAATTG
TAGGGATAAAAATGTCGAGAAAAAGCAAACCTACCACCCAAGAGCAAGGCTATCAAGAGAACAGTTGCTTC
TGATCTTCAGAAACCATGACAGCGACAAGGACGGCCGTCTGAGCACCACCGAGCTCACTGAAGCCTCCGATA
TATCGGCGCCTTTCTCCCGCCCTACCGAGCTCGCCACGCTTTTTTCATGCCGACTCCGACAGAGATGGATTCA
TCAGCGAGAAGGATTTTGAATTACTTGTTAATTATGCTGAGCAACGCCAATATACCGTCATTTGATTTTCTTTTA
CCTTTTCTTTTCTTTTGGGTTTCCTTTCCATTTACGATATAAGGTTTAATGATCTCAGTCTATAATCTTGTTG
GACGTACCCGTAAGATCAAAGATGAAAAATCATGTGTGATCAAGATTATATATGATTTTTCATATTTTACTATA
CGATCAACAAATTATACTCGAGATCGAGAACTATTACTAATAACTGCTTGTGAGTGTTTAGGGTCAAGTTCAA
ATTACCTTCATTTCCATTTGTTCTAATCAAAAACCTGCTTATAGTTACTGTTCTTTCTTTCTTTTAAATAAA
GGATACTTTCTTGTTGTAACCTGCTTATATAAGAAATGTCTTTGAATAAAGAGATACTTTCTTACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3896 NM_102345 | *Arabidopsis thaliana* OVA9 (ovule abortion 9); glutamine-tRNA ligase
(OVA9) mRNA, complete cds

GAATCCAACCAACCGGAATCTTCCACTCCACAGCTCACAGATTCCTTTGATTTCTTTCACTTTCATTAGGGTTTTC
TCCATTTCTCCCTTCTTCTTCTTCCCGCTCCCTTCCCAATTCATCCACCTCCATTTAACGCTCTCAAATGACGG
TGAATAATGATAATGTCGACAAGGACAAGTTGCTGGAAGTCTTCTTGAGAATCGGCTTGATGAACGCACTGC
ACGCAACACCGTCGCCAACAATAAGGTCACTGCCAATCTCAGTGCTGTTATTCATGAGGCTGGCGTGCTTGAT
GGATGTCACAGGGCTGTTGGAAATCTCTTGATAGTGTTGCAACAAAGTATCCAGCAAATGCACTTATTCATC
GACCAATATTGCTGGATTATATTACCTCGAATAAGGTAAGACGCCGGCGCAATTGGAAGCGGCATTTTCATT
TTTTCTGCTGCAGGCTCAGAAATTAATGAATGAATTTGAAAGTGCATGTGGTGTTGGTGGTGGAAAGTTT
CAGTTGAAGAAATTGAGAAAACCTGTGAATGAGGTTTTGAAGAACGTAAAAATGAAATCTGGAGCAGCGTT
ATCGAACAAACGTGGGTGACTTGTTGGCCATGTACGGAAGAAGCATCCATGGGCTGATCCAAAGATTGTAA
AGCAATTTATTGATTCCAAATTATTTGAATTACTTGGTGAAAGGACAGTAGCAGATAACGAAAAGATAGCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3897 CT009588 | *Triticum turgidum*

TGCTTCCTATTCTTGCCTTCGTTTTTCTCCCACTATTTTTCTTGGCAGATGGTAAAGGAATGGCTTGGAC
GTTGACTCGACGAACGATCTGATTGTGATCCACGACCACGAACACGAGCAACTTCATTCTTACGTGATCCCAT
CTTCTATGCAATCTTCTCTATCTTTCTTATTTGCCGCAACATCTAGAACGAAAGGTGAAGGGAGTCAGACA
GAGGCTGTATAATATGGCGAGAGAGTTTGAACAACGTGGCAAGGCGACTTTCGTTTGGTTACTAACTTCTTA
GTAGGTGATAAATTTTAGTTGGTGTGAAATATTGTTTATTGATTTTGTCTCATTGTTGTCTAGATCTAGATT
TTGTGTGAAAATTTGTGAGAAATCTATTTCCCATTTGATCATTCTGTTGTTGTCTATATCTAGATTTGTTTTGA
AAAAAGTTCTTTAAGAGATAGATTGTCTCATTTAGATTTTTTTGTCAATTGCTGAATGGCAAATTATGCACTTA

GCATAAAATAAATATTGGTTGCTTACACAGTAACTACAATTTAATGGTGGATTTCAATTTGATTTGCAAATTT
GCTTCCATTTGAAACCTTAATTCTTGTGTTAATCAATTAGGGTTGATATTCTTTGAGAATTTCTTGTGATGACTT
GCTTGATGATTTTTTTTTTGCCTCTAATTACTGGTTGATTTGGGTGTTATTGTTTGTGCTTTTTACTGCTTTGTT
GGCTAACTTGA

>trans_s_3898 BT024525|Arabidopsis thaliana At2g34585 mRNA, complete cds

TTTGTTGTTTACTCACGAAGAGATTAGAGAGTTTGAGTAGAAGGGGAGAATCGGAATCGGAATCGGAATGGG
GGCAATAACGACGGCCGTGATAGCAATCGGAGCGGTGGTTGCAGGATGGATCACCATCGAAATAGCTTGCAA
ACCTTGCTGGAGAAAGGTCGGGAAGCCATTGATCGTTCTCTCAATCCTGATTACGATCCTGACGATGAAGTC
TCCGACATTCGTGCTCCTCTAAATCCCAACCACAATTTACGCCAGATCTTGACGATACAAACCCTAGTCATCCA
TCTTCCACCACTTCCGAGGTTATCAAGGCCGTTTGATTTCACTACCTTCTTCTCCTCGTATTTAACGGGTAATCGC
ATTTTGTTGTTCTCGTGAATCGTATTCCGGATTTAGAAATCTTCGGTTCGGGTTGAGGAATTCTCTTTGAATTG
GTCTACCGATTATATTGCTGCTTCAAGGGACGGTCAACGGATTGCAATGTAAAAATCTCTGTTTTGTGTTTTG
CTTGTTGGATCTCTAATTCTTTTAATATAGGGATGATAGAACTGTTTTCTTAGTAGAATAAATGGAATGTATA
AATGTTTCTATATTATGTTGTAATTTAAGGGGTTTGTGTTTGTGATCGAGTGTTAAGCTTCAACTTACTTGCTC
GGTCAACTGAAGAAGCTGACTATAATTGGAATCAAAATCTTAATATGAGTATCTTTGAATGGTTTTCCGAAN
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3899 BT029312|Arabidopsis thaliana At1g52565 mRNA, complete cds

GCCAACTAAATAAAAACTTCCCTTTCCCAAATCTCACTTCAAATCCAAGAAAAAAGAAAAGCTTCCTTTC
AATCCCGCCATGTCTTCCATTCTGAGTTCTCAAGGTCTCGTCATTGCAACAGCCATGGTCGTCTCTCCACAGCT
CTCTTCTCGCCTTCTCCAACCACCATCACAGATGATCAGTCCAATAATCCACCCCTCCACATCCCTTCTCCTT
CTTGCTTTTCATCTGATGAAAAGAAGAAACAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGGTGAGATTT
GCTGAGGATGTGAAAGAACCAAAAGGGAATGGAGAAGAGTATAGAAGAGAACATGATGAGAAAATAGGTTT
AATGGAGGAAACGAGAAGAGGAAGGAGAATAAGTTGTAGAAACGATATTCCTGCTAATCGAATTGCTTTGTA
TAATGGAATTCTTAAAGATCGATCGAAAGGATTCAATGTTGTTTTGATCTTCACTCCACTTTGTTTTCTTCTTC
TTGTTTCTGTGTAAGAAAAATCCAGCTTTTCTGTGGCTGTCAATGGATGGTGAATTTCTCTTCATCCAATTT
CTCTTCTTTCTTTTTCTTCTTTGCCTTTTGAAGAAAGAAAGGAGATTATGAATTATGTATAGGAAGTTCTCG
ATTTTAGAATTTGAATTTTCTGTTTTCATATTTGTGTTTAGGTAACACTTGTTAAGTTTGATAGGTAACAATATG
ATTGTTCTTTTTTCCAAAAAA

>trans_s_3900 NM_112933|Arabidopsis thaliana RTL2 (RNASE THREE-LIKE PROTEIN 2); double-
stranded RNA binding / ribonuclease III (RTL2) mRNA, complete cds

AAAACCAGATGGATCAGATTACAGGATCTTGACAGCCTAAACCGTTGGCTTGAAGTGTACATAGCAATAAAT
GATCATTTAGATACAATAACTTGACTAGGAAAGGTAAGTAGAATCATGATCTAAGGACAATGAGGGCATCAG
GAAGCAAAACTCACTATACAAGTATGTTAAGATTGAACTCAAATTGAGTAATATATATGCATTAGAGATGCTT
TCTTCTGTAAAGCACGAATCATCAATGAGGCTGCAGAGTTCTCTGCATCCTTACTCTTGACTTCTCATCTCC
CACAATATAGAACGTACCATAACAAGTGGGAATTTAACAGAGCAAACAAATCTCCTTCCATGTGAAGGTCTT
AGTTTTTCTCGATACTGTACTTTGGTTTCTGCCACTTTTCTGCAACAAAAATCATGTAGCTTCTGCTTTGCC
CTTCAATCTCAAACGATTCATCGATACCATTAAAGTTACAACCTGTTTTAATTTGGTATCCATAGAACCAGACA
ATTTGATGAGAGCTTCTAGCAGCATTAAAGCTTGCGATTTCTTTTGCATTGAAGAGCCGGAAGCAACAAAA
GTACCATCAACATAGACACTCGCGATGTTCTTGATCCGTTTTTCAAATCTTAATATCAACCTGCTTCCCATTTT
TTTGCAACCGTCAAAGAGTACAGTTACAGGTTGGGGCTCTACTTGTAACCTTCAAGAGTATAGATAGGCTC
TAGCAAACCCCTAATAATCAC

>trans_s_3901 HM122504|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L4)
mRNA, complete cds

ATGGAGTTGATTCTCCATCTTTCTTCTCAACAACATCCATTTCTATCTCAATCTCAATCACCTTCTCCCTTCTCCC
TCTCCCTCTCCCTCTCCTTCTCCTTCTCCACTCCATAATCCCAACTTTTTATTATTCTAATTTATCCCTCAATACCC
TAAAACCTATTAGGTTTTCTTTGTTTTCTTTTAACAAAAACCTTTTTGTTCAAATTAATCTCCTTCTCGTTGA
AATTTATTTTGTGTTGTTGGATGAAGAACCAAATAAAAAACCCCTGTATTGTTGATTGTCATGTTCTAGAAACAAT
TCAGTTTCATTTCCCTCAATTTCAGAACAGAACACAAGAACAAGACAAACAAGAAGCAAACCTTTAT
AGAGATTCCAAACATGGCTGCATCTTCTCCTCAGTTCCACTTTTTGGAGTTCGAGAAGAAGGTCAGATGAGA
GGTCAGCAGCCACCGCAACCACAACCGCCGCCGCGTCAGCTCCCTCTAATTCATCCACTGCTCTTCCAACCTCC
TCCTCCCCAGAAGAAAAAGAGAAACCAACCAGGAACTCCAAATCCAGATGCAGAAGTGATAGCGTTAAGTCC
AAAGACATTAATGGCAACAAACAGATTCATATGTGAAGTATGCAACAAAGGGTTTCAAAGAGAGCAAAATCT
ACAACATACATAGAAGAGGACATAATTTACCATGGAAATTAAAGCAGAAAAGCACAAAAGAACCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3902 AB294395|Cyclamen persicum CpYCy3-12 gene for tetrahydroxychalcone 2'-
glucosyltransferase, complete cds

AACATCCATTGAGAAGAAGTAGAAGAAGGAAGGAACACCACTGATTCACTCCATCCTCCCAACATGCCGACG
GCGGAACTGGTTTTCTGTCACCTCGGGAGTGGGCCACCTCGTCTCCACCATCAAATTCATCACTCAATTCCT
TAACCGCGACCCTCGATTCACCGCCGCCGACAAGAAATTTGAATCACCATCGGGTTATGCCGATCCTGACGA
TGTCTTGCCGAAGGGATTCCAGGAGAGGGTTAAAGGGAAAGGAAAGGTCTGTGGGTGGGTTCCGCAAGTAG
ATGTTTTAGCCACAAAGCCATTGGAGGCTTCGTTTCACACTGCGGATGGAACCTGTTTTGGAAAGCATTG
GCATGCGGTGCCGCTCGTGAAGTTGGCCGAGTATGCTGAGCAACAGTTAAACGCTTTCAAGCTGGTTAGAGA
ATTAGGAATAGCAGTGGAGTTGACGATGGATTACCACAGGGAAACTGAATCCCTGGTGACTGCAGATCAGAT
TGAGAGAGCCGTTTCATCGTTTGATGGACGGCGATGAAGCAGGGGAGGTGAGGAAGAGAATGGAAGAAATT
AGTAAGAAAAGTAGAGAAGCTCTTGTTCCCGGTGGTTCTCTTACACTTCATTTGGGAATTTGATTGATGATAT
GTTGGCTAGTTCTGTTTAGTATCTTATACCTTATTATCTGATTCTGATCTGATATCTATGTTTTGAGTCTGCTTTT
TCATGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3903 AY017303|Trifolium pratense polyphenol oxidase (PPO2) mRNA, complete cds

GGCATTACCTAATAGAGAGAAGATAGCTATTCTATTACAACAATGGAAAGAAGAGGGATAAGATTGATTTTC
TACTGTTTTGTTCTACCTTGGCCATTTTCATCTGCGGCTCTCCAACAGCAAATCTTCCAACAGCAACAGAGTCT
AATTACCAACAGAAAACCTTACACAAGAAAACAGGGCAAATATGGGGTTACTAACCAGATTAGCAGAAGATAC
AGTGCAAGTGCAATCACCGTTTCTAATGTGATTCTGTCGTGCAAATGGAGGTGCAGCCGCTGCCGGCGGTGGA
GAAAATGGTGGTGGCAGTAGACCTCATAAGGAGGAGGTACAGCCGTGATCCCTGTTTATGCAGCTGGTTCA
GCACAAGCACGTCACCGCCAAGGTCGACCACATAATGCAGGAAATGGCTATGAGAACAATACAGGGGCTTCTG
GTAGCTGCAGTTTTGGCCGCCATTGCTCATCTCTGTAGAGTTTACTGATATCAAGGCTGTCTCCATTGGGACAC
AATAACATTGTTACATTGTTGAGCTTTCTGTTTCTGTCAAGGTCAAGAAAAAGCAAAATATTTGGATTGTAAA
TGATTGTATGTGCAGAGAGAGAACCTCATAAAGCTTTTTTCTTTTTTCTTGTCTGGGTGACCGTTGTATTG
TACATAGACAGAAAGTATTTTAATTGCGTCAATTAGATAATCTTCTGACAGGCATTACAATCACATAACTGAAAT
TATTTTATGTATGAACTAGTGAGAAATT

>trans_s_3904 BT004523|Arabidopsis thaliana At4g18560/F28J12_220 gene, complete cds

>trans_s_3905 FJ436983|Triticum aestivum cultivar Chinese Spring hexose carrier, LR34, cytochrome P450, lectin receptor kinases, and cytochrome P450 genes, complete cds

>trans_s_3906 NM_001036432|Arabidopsis thaliana AMMECR1 family (AT2G38710) mRNA, complete cds

>trans_s_3907 NM_001066488|Oryza sativa Japonica Group Os07g0554200 (Os07g0554200)
mRNA, complete cds

TGGATGGTTAGGAGAGGTTCTTCGAGAAATACTAGCACCAGATTCATTAATCCAGAACTTGGAGGACATGCTG
GGGTATGTTTAAAATTACCACCATGCGGGACCTCTTGTTAGCTGCATCCATTCGCCCTACAGCTGGATTCAATT

CATCATATGGATTCTTCAGTCACAGTGC GGAAGAAAGTGACAGCGACTGCTCGAAAAGCTGTGCAAGATCCAT
CTTGGCATTCCCATTATTGAGCTGTGCGCATGAACTATTGACGAAGTGTCCAAACAGCGTTCACATTCTTCATG
TTCCAATATGCTGCCCCACGCAAGGTCGAGGGCAGGTAATATGGGCTACGTCTGGGGCTTCAAAGTTATAATG
ATACCAAGATTTGCTCCATTTGGCATCTGAGATGTTGCTTCGGAATATTGCAATGTTGATGCTGAGGAGGTCT
GGGATTTTGGTAACGACCTATATACTGCATGGATAATCCGAAGAAGGTAGAACATAACTTCCGCAGATGAGA
AATTGAATAATGTAATGAGTTATTGTATCATTTAGGAAAATGATTATTTAGCCATTCAAATAGGTTATATACTTT
ATCCATCACTGTGAAAATTGGAATGTAAATGTAGACTGGCCCCTTTTGTGTAAATGCCATGATAGTTTGTCACT
TTTTGTTTTGTTGCGTTTGATTTTTCGGATTCAGTTTTCTGTACACCCCAGATGCCTATGTATGGATGTTATATGA
TGTTATTGAAGGCAGATTCTTGAT

>trans_s_3908 NM_001056188|Oryza sativa Japonica Group Os03g0265900 (Os03g0265900)
mRNA, complete cds

GCTCTTTCGTTCAAATACTCTTTTACTGCGACAATAAATCCATCACATTAAACCACAAATCCCAATCGGAAAAAA
GCAGATTCAAGAGAATCAACGGCAATGGAGAATGACAGAAGGCCTGGAAGGAGCGACGCTCGTTTATCCATG
GAGGAAGAAAGAGAGATGGAGGCCAAAACCTCGAGAGTATTTCAATGGCGTAGCAACGAAGCGCCACACTAA
GCCTCAGCGCAGCGAGTTCTCTGCTCATTACGTCGATAAAGTAAATGACGAGGATAATTACATTCCTGAACTC
GCCGAGTTTCAGCGCCTTGAATCTGATCCTCACGAGAGACTTACTTATGATGGACGTAATGGCAAGATCTCTG
AGGAATTTGTGGAGACGAAGTACTATGATGATCTCAATTGTGTAGACAAACAGCACCACACGACAGGAACAG
GATTCATAAAAATGGAGAATGGAGATTGCAAAGGTTTTAGACTCGCACCAGATTCTGCAGCTGCCGATTGCTG
CCATGGATCTTGTAGGGGTAATCCGGCGACTAACGACTGGATTCCGGCCAGCGGCATAGGCCCTGTAAATACT
TTTTGGCTTTGGGAAGCCAAACAGAAGTGATAATTAGTGAAGAAGAAAAACAACCTATTGTTGCCATTCTTAA
GGAGTTAAGAGTTAAGACGTTGCATTGCATGGAGAAGTAGTGCGCTGCGAAATGTTATATTATTCTGCTTAT
GGGTCACGTTGAAAGGAAAAAAGACCACAATATT

>trans_s_3909 NM_180385|Arabidopsis thaliana OTU-like cysteine protease family protein
(AT3G57810) mRNA, complete cds

CAATTTCAAATAATCCGAATTCCTGGTGATGGAAGATGTTTGTGTTAGATCGGTGGTTCATGGTGCTGTCTCAG
ATCGGGCAAGCTGGCTCCAAGCGAGGTTCTTCAAAGGAGCTTGCAGACGAGCTCAGAGAAAACGTTGCAAA
TGAGTTGATGAAGAGGCGTTTGGACACTGAGCGGTTTATCGAAGGTGACTTCGGACAGTATGTTAGACACAT
GCGCCAACCACATGTATGGGGAGGAGAACCTGAGTTACTCATGTCGTCACATGTCCTACAGATGCCAATCTCA
GTGTACATGTGTGACAAGATGTCAGGAAATCTCAAGGTCATAGCTGAGTATGGGCAGGAGTATGGCAAAGAA
AATCCCATCCGCGTCTTTTCCACAGCTACGGACATTACGATTCTTGAAAGCTCCATGCAATTAAAGAAGTAA
TATCCCTTTGCTTCCCTATCTATTAGTATTTGCTTCTGTGAGAAAAGATTGTGAGGGATGTGAATCATAACCAT
TTCAAATAGCTTTTCCCTTCTAGAAAAGCCAATTTCTTATAATAATTACTGATGAATCGGCTATGCTAAGTA
AATAGAGGTAAGCAAACAAGCCATTACCATCACAAAAGTCGATGGTTTTGATCTCCTCTTCCCACTTATCATTG
ACACTTTAGTGAATTGCACAAGAATTGGTGCCTGCGCCAAGTATATGTATGAATTATAAATCTTTCTAGTAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3910 NM_001187697|Oryza sativa Japonica Group Os06g0174325 (Os06g0174325)
mRNA, complete cds

CTTGCAAATTGTCCAGACCATAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGGAGGGAGAGAGGAAGTACGGTCGATG
ATGGCCAATCTCTTCATTCTAAAGTTTCCAAGTTTCAGTTCCAGCTTAAGGACTGTCTCTGCTTCAGCTTCATCA
AATGGTGCTCTTCCGTTGTCAGCAGGGAGTGGAACGGCAGTGGGCCAATGATCCTGGAGCTTCTCTGGAG
AAGATACGGAGACCTCTAATGAGAACCAGAGCTAACGACCCTGATAAAGTCAAAGAATAATGGACAGCATA

CAAGAAATTGGCCTTCAAGTACCCTTTTCTACTGTGCTGTTTGAGCAATTGGTATCCATTAAAAAATGATTGA
TGTA CTGGAAGTTGATGGAGTTTATTATGGTTTCTCTGGTTGTCATCGCTATGAAGCTCATCAACGTCCGGGGC
TTCCTACAATCCGCTGCAAAATTCGTCGTGGAATAAGAAACATTGAGGCACCACCTACGTTGAATACCTAC
GTTGAAGTTTCAATAGGTTGCCTTACCTTCTGGTAGTAAATTTGCAAGTCCATCAAACCTATTTATTGTTTATTA
ATGCTACAAAAGAGCTATTACTGAATTCTTAAACAAACATACTGTGTATATATCAATCATTGGAAATATTTTC
AATGTCAAAGTTTAGTTGTAAATAAGTAAAACCATTACTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3911 NM_121456|Arabidopsis thaliana pescadillo-related (AT5G14520) mRNA, complete cds

AGAGCCAAAAAAGAAAGTTAAAGGAAATCACCACACTTACTACCATTTGAAGGACATTGCTTTTCTTCATCACG
AGCCACTTTTGGAGAAATGTAGAGAGATTAGGGCGTATGAAAAGAGATAAAAAAGCTGATGCAAAGAAG
AATAAGAGCGTGCAAACTTTCTAATAGAACGCAAGCCTACATATCTATCCGATTACTCAGAATAATAAAGG
AGAGGTACCCAAAATTCATTGATGTACTTAGAGATCTAGATGATTGTCTCTCACTGGTACATCTATTTGCGGCA
TTACCTGCTCAAGAGAGGTTAAAGGTTGAGGCAAAGCGCATTGATGAATGTCGGAGGTTGAGTCATGAATGG
CAAGCATTTATTTCTCGAACTCATAAACTACGAAAAGTATTTATATCTGTGAAAGGTATCTACTATCAGGCTGA
GGTAGAAGGCCAAAAGATTACATGGCTCGCCCCGATTCACTGCATCAGATATTGACTGATGATGTCGACTTA
ACTGTTATTCTTAACCTCATGGATTTTATGAGAACTTCTTGCCCATGTGAACAAACACTTATTTAACTCAATTA
ATTTGGAGTACCCTCCGATTCTGGACCTCGTTTAGAGGCTTGGCAGCAGATTTTATGCTTTGTTAAGATTCT
TCGATGCCAACACCAAACTTCCCTAGTAAACCCTAATTCACCATTGGAAGTAGATGCCGAAGACTCTGA
GCTTAGACTTGCGCAGCTTCAACACC

>trans_s_3912 AY058080|Arabidopsis thaliana AT5g39570/MIJ24_40 mRNA, complete cds

ACATCCCAAAAAAGAACCACGAGATTTACGATGCCGTACTACACCAGAGATGATGAAGCCGTCGACGACTT
CGACGAGTACGATCCGACGCCTTACGGCGGCGGCTTCGACCTCTTTCTGACGTATGGCCGTCCACTTTCACCT
CCGAAGAAACCTGCTACCCTCACTCCGCCGGAACGACGATAACATCGATTACGAACGTCCCCAGTTTGAATC
CTACGCCGAGCCCTCCGCTTACGGCGACGACGCCCTCCAGGCTGAGTACAGCAGCTACTCCCGTCCAAAGCCC
CATTCTATGGAGCTCCCTCTGGGGAACAAGGATATGGAGAGGGCGGCTATGAGTCTTCAGGCCACAGCCG
GCCTATGGCTTCCAGCCTAGTGGATCGGAGTATGGATCTGAAGGATATCGCCGTAAACCGGAGTCTGGGGAA
CAGGAGTACGGATCTGGTGGGTATGGGAGGAAACAGGAAACGGAGTCTTACGGATCTGGAGAGTATGGATC
TGGTGGGTATAGGAGGAAACAGGAGTCGGAGTCTTACGGATCGGAAGAGTATGTATCTGGTGGATATGGGG
GGAGACAGGAATCGGATTCTTACGGATCTGGTGGATATGGACGGAGACAGGAATCAGACTCTTATGGATCTG
GTGGGTATGGGGAGGAGGGCAAGAAGAGGGCGAATCGGAGGGATACCGACGGCAATCGGAATCTGAAGA
GTATGGATCGGGGAGGAAACAGAGGTATGGAGAAGAAGGGT

>trans_s_3913 AJ580822|Lotus corniculatus var. japonicus gene for coatomer alpha subunit-like protein

CTCATTTAAGACTTGCCTTGCAGAACGCAATGACTGTTTGCTTCAAGGCTAAGAACCTTGCTACCGCTGGTAAC
TTTGCCAGGCGTCTGCTTGAACCAATCCCGTCGTTGAGAACCAAGCAAAGGCAGCCAGGCAAGTGCTGCAG
GCTTCTGAGAGGAATATGACAGATGCTGCCAACTCAACTATGATTTTAGAAATCCCTTTGTGATCTGTGGGG
CTACACATGTGCCAATTTATCGAGGACAGAAAGATGTCTCGTGCCGTA CTGCAGTGCCCGGTTTGTGCCAG
CCAGGAAGGTCAGCTTTGTACTGTTTGTGATCTCGCTGCTGTTGGAGCAGATGCATCTGGACTACTCTGCTCTC
CTTCCCAGATTGATGATTTGCTAGACTGTGAGTGTTCAGCCATTACTCGAACTCGCCCTTGCAACCAAAGG
TATTTCTTCGTCAACCGATATACTGCAAGAACAGTGAAGTAGAAAGTTATGAAGCATAAAAGAGTCAACTTCT

GATGCAAGGTCCGGTCTCTACTATCTCCTTTGGCCTAATTCTGTTTCTTTCAACCTCTGTTTAGTTATTATATACC
ATATTCAGAAATTCATGAATTTTGACTTTCCCTATTCTTTGTTAAGTTGTTTCATAGACCTTTATCAAATAGATTAT
TTTGTATGCAGGTGTTTACGATTCAATTATTAGAAATTGTTTCGTAAACATGATTATGTCCTTGCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3914 AY139986|Arabidopsis thaliana expressed protein (At3g12930) mRNA, complete cds

TTTACTTCAAAACGGCCGTTGGTTTTCGAACGGTAGCTCCACGGGAGTTGCATTGCCATAGAACTCTTCCAAGT
TATAGAAAGCCCTCTGCTGGGGTAGAAAAATATGGATAACCACATCTCCAAAATCCAATAAAGTCCAGGAATT
TGGCTTCACGTCACCAGAAGGACTTCTCCATACTTCTTCTCGGCAAGATCTCTTATCCGGGATCCTATAGCATC
GATCTGAGGGCGAGAAAAATGCTGTTGCAATGATGAAAAACCTTGCCAATAAACTAGAGGTTTCACAAATAG
AACCCGGATATCTGCAGCCTTTACATCACTTGCAACCTTCGCCATTGATACAGCAAATGAAAGGCTTTCTGCGT
CATCGTCAATTTCTGCTAGGAGGCTTTTGGTCATTGCTCTTGAATACCACATTCCCATATTTCTTGAACAATT
CATCATACATGTCATTAGTATCATCATTATTCGATAAAAAGCCATCTTCAGCTCCTCCTCGGACGGCGAAC
AATGGCGAGGACTCAACTGACTTCAAATAGAAGTTATTTGCAGAGGGTACCCTCAAATGCAGTTTCGGTATG
GAAATGGAGACCCATTCCAGCATGAGCAGAAAATTTGTTTTCTGGGTCTTCTGAAAACCTCCGAAATAATTGTG
ACCCAATTGCCAGAGATCACCGCCGAACAAGTTCCGGCGCGCGCCGTGAAGAGATAAGGTAGTGGATA
ACGCCATGCTTGTTCTTTTGCCGTGA

>trans_s_3915 DQ097727|Arachis hypogaea ubiquitin-conjugating enzyme 2 mRNA, complete cds

GTGCGATCATACCAGCACTAATGCACCGGATCCCATCTATCTTTTATGACACGCTTCTCTCTACACTTGCTT
CTTTAACTTTCGGAACCCTAACTCAGTACCCCGAGCTTCAAAAAATGGGTGATGAAGCCGCGAAAGTTGTTGT
TCCTCGAAACTTCAGATTACTGGAAGAACTTGAAAGAGGTGAAAAAGGAATTGGAGATGGAAGTGTGAGTTA
TGGAATGGATGATGCTGATGATATCTATATGGCGTCTTGGACAGGAAGTATTATTGGGCCACCTAACACTGTT
CATGAAGGACGCATCTATCAACTCAAGTTATTCTGCGGACAGGATTATCCCGATAATCCTCCAAATGTTAGATT
TCAAACACGGGTTAATATGACCTGTGTCAATCCAGAACTGGGGTGGTGGAACCAAGCCTTTTCCCATGCTT
GCTAATTGGCAAAGGGAGCATACAATGGAGGACATATTAATGCAATTGAAGAAAGAAATGACTTCTCCCCAG
AAACAGGAGACTAAGTCAGCCTTCTGAAGGTAATGAAGATGGAAGAATGGACCAAAAGGGGTTAGTGTTGA
AATGTTGCATTCTTTAAGGTAAAAAGGCCAAATATGATAATGTAAATAAACACAGACATTTGATGTTACTATTT
AAGCAACATGCTTATGTCTACACGCATATGAATGAAGTTGAGTTGTTTTCCATTAAAGTGACGTGTTTGTGTTGA
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3916 NM_124910|Arabidopsis thaliana FTSZ1-1; protein binding / structural molecule
(FTSZ1-1) mRNA, complete cds

AATTCGGGGGGGGATGCTCTCCGATAATGGCAACTTTTCACCTCACAAATCTATCTTCTTCTTCACTTCACC
CTCAATTTTCATCATAAGACATCCTTCTTCCCTCCAATTTTCCCCGGACTTGTTCTCTTCTAATGCCAAGCGGAA
ATTCCCGTCTCGGAGACACCATCTTGCTGTTGTGGGCTGCTCATTTTCCCTATGGAGTCCGCTAAGATTAAGG
TTGTGGGAGTTGGTGGTGGCGGCAACAATGCCGTTAATCGCATGATTGGCAGTGGTTTGAAGAGTGTTGATT
TCTATGCTATAAATACGGATTCTCAAGCTCTACTACAGTCTGCTGCTGAGAATCCACTTCAAATGGAGAGCTT
CTGACGCGTGGTCTAGGTACTGGCGGAATCCACTTTTAGGAGAACAAGCGGCAGAAGAATCAAAGGAAGC
AATAGCTGGTGCTCTCAAGGGCTCTGATCTTGTGTTTATAACGGCTGGTATGGGTGGAGGCACTGGGTCTGGT
GCAGCCCTGTTGTTGCCAGATTTCCAAGGAGGCCGTTACCTTACTGTTGGTGTTGTTACTTTTCCATTCACT
TTTGAGGGAAGAAAACGATCCTTGACAGGCACTGGAGGCCATTGAAAAGTTGCAGAAAAATGTTGACACTCTT
ATAGTGATCCCCAATGATCGGTTGCTTGACATTGCCGATGAACAGACACCTCTTCAAGATGCTTTCCTTCTTGC
TGATGATGTCCTACNGTCAGGAGT

>trans_s_3917 NM_001036313|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S25 (RPS25B)
(AT2G21580) mRNA, complete cds

GAGCTCCAGCCGGCAGCCACACCAACCTTCTGCCTTCGTCTTCCATCCAAATTCTCAGCTCTAAACCTACTCGAC
ATGGCACCTAAGAAGGACAAGGCTCCTCCTCCATCCTCCAAGCCCGCTAAATCTGGCGGAGGAAAGCAGAAG
AAGAAGAAATGGAGCAAGGGAAAGCAGAAGGAGAAGGTGAACAACATGGTATTGTTTGATCAGGGAACCTA
TGACAAGCTTCTTTTCAGAAGCTCCAAAGTTCAAGCTTATTACTCCTTCCATCCTTTCTGACAGATTAAGGATCAA
TGGATCATTGGCACGTCGGGCGATCAAGGATTTAATGGCGAGAGGTTCTATCCGGCTCATATCTGCTCATTCT
AGTCAGCAAATATACACTAGAGCCACAAATACATGATCAAAGAATTGCCATTTAAAGGAGGAACATCTTGGTT
TTCTTGATCTCGTCAGAACTATCTATGATTTTGAATATCGGCATGTTTGCATTTAGAACTGGATGAATTATTT
GCACTGCTTGATCGGATATATTTTTATATAATTTGCATTTTTGCTTTCATTTCTTTGAGTTCCTCTAGCAAATGAG
CAAGCATGTACTATTGATTTTGGATTAGAGATTCGTGGTCTCTACTTTGTCGATGGAAGAAAAAATACTGAAAC
ATCTTATGTAAAGGGTCGTAAGGCACTATTTTAATGGCTCAATGAATTCATTTGACTTTTCATTTCTTGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3918 GU359590|Aeluropus littoralis voucher US:Ferguson 634 NADH dehydrogenase
subunit F (ndhF) gene, partial cds; chloroplast

AGAAAAGCTGGAAGATCCCCTGATTGGCACACCGAAGGAAAGAAATGGAACGATTCTATGTCTAATAACCAC
CACCATGCTTTGGACGATGGAACTGCAAGAATCGATCCATTTATTAGATAGGGAGCTCAAAGACATGCTC
ATGAGAATCACTTATAAGTTAATAATGTCAAGGATCTAGTTCCTGTTATATTGTAGAATAGCATGCATGACCT
GGGTAGTCCAAGTACTGGACATATCATTGCGGTGAAGATTATACTGTTGCCATGGAACAATGCATCATAAAAT
TATAAGAATTATGAATGGATGCTTCACCTGCCAATGTTAGGAACTTAAATATTTACCACTTGAAGGCGTTTGTT
TTCATCATCAGTCCTTTAAAAGCTCATATGCTAAGCGGAGATGACACGAAATTGAGTGCAGACATAAGCTTGC
TTCTGCCATTTTTCAAGCAAGGAAAGGAAGCCAGGAGAACTGTTCTTTGGTCGTAATTAATATTATGTTTCAGG
TGTAATCTAGGATCGTTATATTATGCTTTTAACTCACCAGTTATTAATGTAATTTGGTTTACAGTATCGTTTTAT
AGTTCATGTAAAATTCCGGTCTAGGATTCAATTGTATCTCTCAGTTGAGCTTTTGTGAGTATATTGCCTAAAGC
CGAGTGAAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAAATTATAATGCAGGGTGGGAATTGCCCTTTTTTTGATAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3919 D26392|Cucumis sativus mRNA for monodehydroascorbate reductase, complete cds

AAATTCACCTCTTTTGATTTTCGTCCCCGGATAAAATGTCGGACCAGTTCTCCACCAAACGCTAGCTCCTTCTCAA
TTTTGATTAGCCATGGCAGATGAGACCTTCAAATATGTGATTCTTGGTGGTGGCGTTGCCGCTGGATATGCAG
CTAGAGAATTCGTTAAACAGGGGCTTAATGCAGGAGAGTTGGCTATTATATCCAAGGAGGCGGTTGCTCCTTA
TGAGCGTCCAGCTCTTAGCAAAGCCTATCTCTTCTGAGTCGCCTGCTAGATTACCAGGGTTCATGTATGCG
TAGGAAGTGGAGGGGAGAGGTTGCTTCTGAGTGGTACAAGGAAAAAGGGATCGAGTTGATTCTCAGTACA
GAAATTGTTGAAGCAGATCTTTCTGCCAAGAGACTCAGAAGTGCTCATGGGAAAATTTACAATTACCAAACCTT
TGATTATTGCTACTGGTTCTACTGTTATTAATTGTCTGACTTTGGAGTTCAAGGAGCGGATGCCAAAAACATT
TTCTATTTGAGAGAAATTGATGATGCTGATCAGCTAGTTGAAGCAATCAAAGCAAAGGAAAAATGGAAAAGTG
GTTGTTGTTGGAGGAGGATACATAGGCCTTGAGCTTGGTGCAGCGTTGAGAATAAACAACCTTTGATGCCAGC
ATGGTTTATCCTGAACCATGGTGCATGCCTAGGCTATTCACTCCAGAAATAGCTGCTTTCTATGAAGGTTATTA
TGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3920 BT003103|Arabidopsis thaliana At5g58240 mRNA, complete cds

AAGACAACACTCAAAAGAATCGAAATTATGGTATTAAGGTTTCAAGCATCTCGCGCGTTGCTTCCACTTACCCC
TTCTTCTTCTCCTCAAATTTTGGCCTTCAATACAATTAGGGTTCACTTCAATTTCTTCTTCTCCGACCAAATCGTTCA
CCATCATGGCGGCATCCGATCACTACACTTTTGGGCGTTACAAGATTGATCCCAAAGAAGTGTCTACTGCACC
ACTCTCTCTTACGCCATGGTCAACCTCCGTCCTCTTCTTCTCTGGTCACGTGCTCGTCTGCCAAAACGTGAAGTT
CAGCGCTTTGCTGATCTTACTGCTGATGAGACTTGTGATTTATGGCTCGCAGCTCAGCGGGTTGGTCAAAAGC
TAGAGTTGTACCATAAAGCTTCATCACTCACATTCGCAATTCAAGACGGTCCTCAGGCCGGGCAAACGTGATCCC
CATGTTTACATTCATGTTCTCCAAGGAAGGGTGGTGACTTTGAGAAAAATGATGAGATTTATGATGCTCTTG
ATGAGAAGGAGAAAGAATTAAAGCAACATCTTGATTTGGACAAGGAGAGAAAAGATAGAAATATGGAAGAG
ATGGCTGAAGAGGCAGATCAGTACAGAAAGCTTTTGTGTAACCTCCTTTTCTTTTCTTTTGAACAATTGGGTT
GTAGTTTTATGACATCATAAAGTATTGAAAAATTAATTTATCATATGAAAGTCATGGATGGGACTAAATTCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3921 X85013|C.sativus mRNA for T-complex polypeptide 1

TTATGTGTCGCTAGGAATCTCATTGCAATAACTCCATAGTATATGGCGGTGGCTCAGCTGAGATTTCTTGTT
AGTTGCTGTTGAGACAGCTGCTGATAAGTACCCTGGAGTTGAGCAGTATGCTATTAGGGCATTGCTGATGCT
CTGGACGCTGTTCCAATGGCACTTGGGAGAACAGTGGCTTACAACCCATTGAAACACTTTCTGCTGTAAAT
CTCAGCAAATCAAGGAGAACAAATCCTTATTGTGGAATTGACTGCAATGATATTGGCACAATGACATGCGGGA
GCAAAACGTATTTGAGACTTTGATCGGTAAGCAACAACAGATTTTACTGGCAACTCAGGTCGTGAAGATGATT
CTGAAGATTGATGATGTCATTTCTCTTCGGATTATTAACGCATTTGTGATTTTCGCTGCCTTCACTTATTGGCC
ATGGCTTTCTAATGGCATGCATGCTCAGTTGTGAGTGACGTGAGACTCCTTTCTACTCTTAGTTATAGTAGGGG
AATGTTATGTACCTTAGAATTTTGTGTCATTATTTAAAATTTAGAGTGTATGGTTTTTGGGAATGATAGAT
TATTGTTTGTGTGAATGTAAGGAGGGATGAGCTCAATATAAGCCTAAGGCTTTCTCTTGGTTAGTCTGGTTTAT
ACATGAGCAATGTGACATCATTACCAACTCTTTAGTGCTATCTTCAATTTCTCGGATTTGGTATATTTATTAT
CAATGGATGGAGGAATGTTT

>trans_s_3922 FR669117|Vitis vinifera mRNA for calcineurin B-like protein 01 (CBL01 gene)

CCACTCACTCTAATCCAAATGGCACTTCCATCTTCTTCTTCTCATTTCTCTGTTCCAAGAATCAACCAGAAATT
TGTAGCACAATCTACCTGTTTCTCTCCACTTTTCCGCTGTTTGATCCATGCCTAAAACCCTGTCATAGTCTCCAA
ACCTCGATTGATCACAACCCATTTCTGTTTACTTCTTCTTTTCTTACTCATTAAGTGTCTTTTGATTTTCTTGAG
TTTTTGGGATTTTCAAGGCTGAATACTTTGCTGTGAAGCCAAGTAGAAGCTGCCCCGTCATTGCTTTGTAGTGCA
CCAGTTATAGTAAATGGGCTGTATTGAGTCTAAAGGAAGCAGACAATATCCTGGATATGAAGATCCTATATAT
CTTGCTTCACAAACGGCCTTTAGTGTCAGTGAAGTTGAAGCATTGTTGAGCTGTACAAGAGCATCAGCAGTT
CTGTGATTGATGATGGTTTAATAAATAAGGAAGAATTTAGCTTGAATTTTCAAGAACAGAAAGAAGGAAAA
TCTGTTTGCAACCGGCTCTTTGATCTATTTGATGTTTCAAGAGAAAGGGTTCATTGATTTTGGTGATTTTGTAG
ATCGTTGAATGTCTTTATCCTAATGCTCCCCAGGAAGTCAAGATCGAATTTTCTGTTCAAGCTTTACGATTTGGA
TAACACTGGATTCATTGAGCGGCAAGAGGTGAAGCAAATGCTAATTGCTCTTCTGTGAATCAAAGATGAAG
TTGGCTGATGAGACA

>trans_s_3923 NM_103237|Arabidopsis thaliana diene lactone hydrolase family protein
(AT1G35420) mRNA, complete cds

ATCTACATGGAACTTATAGGTTGCGTCTGTGGGATTTTATGTCCCCAACTCCCAACAGGATATTTTATAGGATA
TTTGTGTTTGGACATCATCCATTGGCTGCTCTGCAATCTTTTGTGTTGGCTAAGAGAGAATGGGATTTGCCTCTGC
CGGAGCGCAGTTGATTTCCCTTCCACCAACTGGGAGCAGTAGCCGCCGTGTCGAGAAGCCAATTCAGCCACCT
TACTCCCAATTTGCTTATCCTCTCCCTTCTGTATGTTTATTTTCCCTTTCTCTCTACCTTAAATGTATTCCCCAAC

ATGTTTACTACTATGATGGAATCCTCATTTTCTTAAGAGTAAAGGATTGAGCTTCTTTTTTTAGTGGAATAC
AATAATTGGGGTGATTGGAATGGAAGGGTAAACTGCGTTATTATAGCGTAAAGGGCCGAGTGAAGGATGA
TGATGATGACGCTTGTGAAGTAGTGAATGGAATGGAGCTTCAATTGGGGAACAACCTCATCATTCAATTCCT
GCATATCTCTTTAAGGCAGTCAAGAACAATAATGGAAGTCTATTCTTCTCTTGTCCGATCTCTTGCCTTTCAA
GATTCTTCCATTAGAGACTTTGCTTATCGTCTCGCTTGAATGGCTTCAAGTATGCTGCCCTAACATTCACATTC
AATTCCAATTTTGTATCAAATAATATGTAAATGTTGAAATAATAAATCAAAGTAACTAAATATATATTATAACA
ATAGAAAAATATTTATT

>trans_s_3924 NM_203202|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT5G53850) mRNA, complete cds

ACACTGGGCTAACAAAGAGGAATAACAATTCCACTCACGATTGCTTCTAATTTTTCTGTCTATTAAAGTTAAA
CACTTTTTCAATTTCAAGCTAAACCACCTATTTTTTCGGTGAGCTTCTCCGTTTTAACATAGAAATAGCTCTTCATG
GCAACGGCATCAGATGTGGGTGTGAACGGAGAGAAGAGGGCTAAGATATCCCTGATTTCTTGAAAAGTAA
GGGGGTCCATGAACTAAGGCTTTACTTGAGAGCTGTGCCGCCATTTTACGGGCTTGGATGGGTCTCTGGA
ACTGGCGGTAGTATCACCATCAAGGCCACGATGATGCTATTTCCCAAGCAGAATCAGCTCGTCGTCATGTCTC
CTTCTGGCGTTCAAAAGGAGCGAATGGCGCCGGAGGACATGTATGTGTTATCTCCGGATGGTTCTGTCTTATC
TTCTCTACCGTGAAGCCATACCCACACAAGCCTCCAAAATGTTCCGACTGTGGTCTCTTTTTATGAAGGCAT
ATCAAATGCGTGATGCTGGAGCTGTTATTCACAGTCATGGGATAGAATCATGCCTTGCAACAATGATCAATCC
ATCAGCAAAGGAATTTAGAATTACTCATATGGAAATGATTAAAGGAATCAAAGGGCATGGTTACTATGATGAA
CTTGTGATCCCAATAATAGAAAATACAGCTTATGAGTATGAGCTCACAGAATCTCTAGCTAAAGCATTGAAGC
CTACCCGAAACAACTGCTGTGCTTGT

>trans_s_3925 FJ535838|Codium arabicum 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TACGACGCTCCCCTTCTTGCCACCACTGCACGAGTCTTCCCTCCACCACCCAAGCCCCAGACAATCGGTCGGT
GAACGATCTCGCATCACGGAAGTTCCACCGCGCATGGGCGTTCACGCACAGGCATCGCACACGGCTGCAGAA
GATCGACTCTGCTCCACCACAACGCAGATGCTCCACCACAGTCGGTCATGCACAGGCCCACTTCGATCCATC
GCACACAAGTGAAGCGGCTGCGGATCTTCTGGCTCTACGACCCAAGCTACAGACCTTCTTGCTCCACCATGGA
CGGTTGCGCACAATAACAATATGGTTGATTTTCAGATTCAAGTTGTCGTCTTCTATTTCTGTTGATTTCTGAT
TCAAGTCGTCGTTGTCTTTCTTAAGTTTTCTTCTACACATTTCTTCTTACGCCACTTACGTGATTTTTCTTCGGC
CACTTACTGTGATGAATCTAAATATTTGGGTGATTAGGAGAAGTGGAATTACAATTTGTTACAGGAAGGTT
GGCTAGTGATTTCAATATTTGGCCACTTTTGTAACAAACGCTAGTCCCATGAGTTCGCAACGACAGTATTTCAAT
ATTTTTGATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3926 X71668|S.vulgare ltp2 gene

AGAGCGAGTGAGAGAGGTAGAGAAAAGCAAGTAATTGGATTTGTGGAGGGAGTAAGCAGCAGCAGTAGAG
CTCGGAAAATAAAGCAAAACAAAAGAAATGGAATGAAGTTGAAGGGTTGATGATTGTGGGGATTGTG
ATGATGTGTATGGTAGTGCTGGGTGAAGCGGTGTGACGTGCGGGTCAGTGGCTTCTGCAATGGGGCCATG
CATCCCATATTTGAGAAGCCCATCAGCGTCCGTTCCAGCAGGATGTTGTAGTGGGATTAGGAGCCTCAACGGC
CAAGCCGCCACCACTGCCGATCGCCGCACCGCTTGAAGTCTGCTGAAGAGCGCTGCAAAATCCATCTCCGGCA
TCAACTATAAAGCTGCCGCTGGCCTTCCCGGCAAGTGTGGTGTGAGTATTTCTTACCCGATCAGCCCCAACACC
GACTGCAGCAGGGTGAATAAATAAATGGTAATCATAATCATCTCCACCGCATGCATCTACTGCCTCACTATT
ATAATTATAATTATTATATTAGTGGTCTCGGTAGCTTAATTAGCTTAGCTAAATACCCAATATAATAAACAGCGT

GGGGCTACCTTGTTGTTGGATATCCATGCTTTTTCTTTTTCTTCTACTACGTCTACTGTGGTGTGTGTGTGAG
TATGAGATTCCAATGGTTTCTATCATTGCGAATTCCAAATTATCAATTATCAATTTAATAAAAAAATTCCTCATT
TTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3927 Z97558|*Arabidopsis thaliana* mRNA for argininosuccinate lyase

TCAAGGGAGATGAGAATTCTATAGCACTCGATGTCATGAATCGATCAATTGGAAGGCCAGTGCCAGCCAAAG
CACAAGCTCCTAAGGGGCAGAAATTCAGTCTAGCTCTGCAGTCCAGCAAACGACCAGCATCCCTATCGGGCTG
CTCAACGAATGCAAAGAGAAGATGCTGAAGTAGGACGGGCTGTGCTCTCTGCAAATGTGTATAACCTGGCAC
AATAATTCCTGCATTCTTGACTGCCAAGTCTACCATTGCAACTTGAAAATCTTTAATCCTCTCAAATATTGAATC
AATAGCATCTCGGCACCACAAGCGAAAATCAGTCGCTACCTGGTCGTTGCGGCTCCGAGCAGTATGCAGTTTC
TTAGCAGGCTCGCCAATCAAATCAGTAAGCGCAGCTTCAATGTTTCATATGAACATCTTCCCTGTCAGCTCTCCA
GACGAACTCGCCATTTTGAATACGCCTCTCGATCTCATCGAGACCTGCTAGAATACTGTCCCTGTCACTGATAC
TCATCAATCCCTGCTTAGCGAGCATGGATGCATGAGCACGACTGCCACGGATATCATGCTTGTAAGGTCCTT
ATCATAGGAAATCGACTCCGTAAAGCGTTCGACCGCGTCTGTTACGCTCTCCTGGAAGCGGCCTCCCATAGC
TTAATTTCTTGGCCTCGGGTTGCTTGGAGGCGGCGGAGGATGCTCCAGTAGCCTGAGAGGCAGACTGAACA
TCGAGTTTTGTCATGGCCGAGTGAAGTGA

>trans_s_3928 NM_001067937|*Oryza sativa* Japonica Group Os08g0266200 (Os08g0266200)
mRNA, complete cds

ACAAAGCTTTCCAAGTGTGGAGACCGCGTGGAAAGGCCTTTCCGGGCATCTTTTTCCGGAGTCGAGGCGTGT
CGAAACAGATAAGCACCACAACAATCATCTTTCAGCTCCTTGAGTTTGATTACCTTCATTCTCGTGTTGGGTTG
TTGGCAAGTTTTGATTTTTGCTGACCGAGGAAATTGGATCATGCAACATGGTTCCTTGACAGCGTCCTTTCTTCT
CCTCACAGGAGTCCCCGTCATTCCGAAAGTCCTTTCCGAATGAGTTGGGCAGTTGGTCGACTCTCATGCAAC
GACATCGCTTCTCCTGACAGCACTTGTCTCTTGACTTTTCTTGCACAATTTACCTTTACTTTGCTGTACCTT
AGGCTCTTCTCCTCTTGCTTTGGACTAACTGGGACTCAAAAAGCTCAGTGTCAACTGGAGCTTGCAAAGACTT
CCATCGCTAAAGGGAAATTGAAAATCTTTGATACTTTGGATTTTCGATCCAAAGCTCGTGTCTTTTGCTTGTTG
TTCTTAAAAATTTGGGTTGAATGCTTAAAGAAATGAAATTAGTTAATCTGTGATACAAGGTTGTGTAGTAAG
ATGTAAGCGAACTCTCTATACAAAATGTCCGAGAAGAAAAAAGGGAATTAATCAATCATCTTGTGTTTTGCAG
ATCTAGACTATAATGTACATGCTCTTCAGTACATGAAAATTAAGTGTGTTGTTGATATGTCTAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3929 GQ998087|*Cornus florida* voucher FLAS:M.J. Moore 328 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

GATCCGGCTTGCTAGGTAATATCCAATTGATGGAGGATTATAAATGGATCCCTTTTTGGATTTTTACTGGAGA
TTGGGAATCGATGGACTTTCATAGGACCCATTTTACTGACGGGTTTATCACCACTTTAGCTACTTTAGCGGC
TTGGCCAGTTACTCGAGATTCCCGATTATTCCATTTCTAATGTTAGCAATGTATAGTGGTCAAATAGGATTATT
TTCTGCTCGAGACCTTTACTCTTTTTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATTCCCGTTTATCTACTTCTATCGATG
TGGGGCGGAAAGAAACGGTTGATTACAGCTACAAAGTTATTTGTACACTGCGGGAGGTTCCATTTTTTGT
AATGGGAGTTCTGGGTATCGGTTTATATGTTTCTAATGAACCAACTTTAAATTTTGAAACATCAGCTAATCAAT
CGTATCCTATAGCACTAGAAATACTATTCTATATCGGATTTCTTATTGCTTTTGCTGTCAAATTACCGATTATACC
CTTACATACATGGTTACCAGATACCCACGGAGAGGCACATTACAGTACTTGATGCTTCTAGCCGGAATCTTAT
TAAAAATGGGAGCATATGGATTGGTTCGGATCAATATGGAATTATTACCCACGCCATTCTATCTTTTACCC
TGGTTGATCATATTAGGCATAATTCAAATAATCTATGCAGCTTTAACATCTTTGGGTCAACGCAATTTAACCC
CTCCCATCCGAA

>trans_s_3930 BT011766|Arabidopsis thaliana At2g27385 mRNA, complete cds

ATGGCAATTCCAAGCTTGGTTAGAGCAGCACTTGTGTTGGGAGTGGTTGTTGTTGCTGCCGCCGCCGCCA
CTGCCAGTGTTGAACTTGCAATTACCACTGATCACTATATTCTCAAAGGGAAGGTCCTTGCCTCGACTGTCAT
GCCTCTTATGATCTTGCTGGGATCGTTGTGATGGCGAAGTGCGAAAAGGTTGGGAAGGTAGTTACAGCAACG
ACGGCCAATGATGGGGGTTTCGAGGCCGAGCTGCCTTCAGATGAGTGCAGGCCAGGCTCGCCGGCGGTCTG
GAACCAGCTCTACGCCCCCAGAAAAGACATGGTAGCTGGAATCGTGAAAGGCGTTGGTGGGTCCGATGAAAT
CTATGGCATCTCCACTCCGTTGGCGTTTTGCAGTTCTTGCCGGTGCCGGTCGATCGGCGCCAGTAGTACTGAA
GCGGAGAAACACTGCAAAGTCGTCGCCGGGAAGTTTGGATCGTCGAAGACCTTCAACCTGCCTCTGCCGCCG
GAGTGGGGGATGGCCCTTCAAGCTATTACTTTCTTTCTCCCTATCATTGGCATCCCTTAGATAATATAATTT
ACACTAATTTCTTTGCTTTCTAGTAGTGTGTTGTTGATAATGATACATAAATATATGTGTGTGTTTATGGCAAT
TAACTTTAATGTTAATGTTTAGATACATATATATATGTGTGTGTATTTAATGGGTTTTTTTTTTTACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3931 NM_113572|Arabidopsis thaliana ERF1-3 (eukaryotic release factor 1-3); translation
release factor (ERF1-3) mRNA, complete cds

AACAGGAAGCCAATCAAAGCAACTTCCGTGACTCCGCCACCTCTGCTGAGTTGGAGGTTCAAGAAAAAATGG
CGTTGCTGGAATGGTTTGCGAACGAGTACAAGAAGTTTGGTTGCACACTGGAATTCGTTACCAACAAATCACA
GGAAGGATCACAGTTCTGCAGAGGTTTTGGTGGTATTGGAGGAATTCTTCGTTACCAGCTTGACATAAGATCA
TTTGATGAACTATCTGATGGGGAAGAGTACGACGATTCTGAATAGCAATCAATCAATCACTCCCCGTGGCTGG
TGCAGATGGGGGATCAAGCGCTTGACACGCGCCAGGGTTCGCGGAGGGGTTATGTCCCTTTGATCTGGAT
TTGGCGTCTATCTAATTGATCGATAAGGATGCGTGCTCCAATCTTTGCCACAGTGCTCTGCCCTTGTTCTCGT
GAATGGTTGCTGTCTACAGCAGATACTCAATTACAAAATGTTTGAAGTATTGAATTATATTCAATGCTCGTAA
GCTCTGAACTTTTTGAGTTTGTGTCAATTCGACTATTTTCGTTGCTGATAAACCATGTCAGTTGGATCTGAATT
CATATGCATTTTACAATATTTGAAGGTTGTTCTTGTTAGGATTGGTTTTCGAATCTCTGAGAATTAGGCTACAA
AATTGTTTCTGAAACCAACTTTATTAAGTTGCATCTAAACAATATTTAATTCGTTAATAGAATGCATTGTCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3932 NM_100308|Arabidopsis thaliana RPS15 (CYTOSOLIC RIBOSOMAL PROTEIN S15);
structural constituent of ribosome (RPS15) mRNA, complete cds

ATAAATGATCTTAATTTGACAATTTGCTCCACTCAAACCCCTAGCAGCCAGAATCCCCATTTGCACTCACTCTA
CGGCTTCTTCTCATATCTGAACTCCAACCATGGCGGACGATAATCCCGATGTGGCGGCGGCGGCAGGAGTCCC
GAAGAAGAGAACTTTCAAGAAGTTCAGTTTCCGTGGAGTCGATTTGGATGCTCTCCTCGACATGTCCACCGAT
GAGCTTGTCAAGCTCTTTACTGCCAGGGCTCGCAGAAGGTTCCGTAGGGGTCTGACAAGGAAGCCAATGGCT
CTTATCAAGAAGCTGCGTAAAGCGAAACGTGAGGCTCCACCAGGTGAGAAGCCAGAACCCGTTAGAACTCAC
CTTCGTAACATGATCATAGTACCTGAAATGATTGGAAGTATCATTGGAGTTTACAATGGAAAGACCTTCAATCA
GGTTGAAATCAAGCCTGAGATGATTGGCCATTACCTAGCTGAGTTTTCTATATCGTACAAGCCTGTTAAGCACG
GTAGACCTGGTATCGGTGCTACTCACTCGTCGAGGTTCACTCTCAAGTGAGAAGAGCCATTTTTGGGTCTT
GGATTATACTCTGCATTTCTTCAAGTTTTATGGATATTTAATTATTTTTCTTTATTAGTCTATTTTTGGCTACTTT
TGACTGGAATTTAATTTTCTACAAACAATGAAAGATAATTTGACGGGTTTCAGACGCTGGTTCTTCAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3933 AY742294|Malus x domestica zinc finger protein-like mRNA, complete sequence

ATTCTTAAGATTCTTCTCCCTTTTCTTCTCCATTCCCTTCCCCAAACACAAAAACGAAACCCCCCCCCCTCA
ATCCCCCTTCGTTCTTCAGGGTTTTAGATCTGTACAAACAAACAACATCATCGCAATACTGTGCGATCCCTTCTCG
CAGAGCTAGAGATAACTCTTCGTTGTGAATCTAAAAACGCGAGGTTGTGAAGAAGAAAGACATGGCGGAAGA
GCACAGATGCCAAGCACCTGAAGGTCACCGGCTCTGCGCCAATAACTGTGGATGCTTTGGTAGCCAGCTACC
ATGGATCTCTGCTCCAAATGTTATAGAGATTTCCGTCTTAAAGAACAAGAACAAGCCTCCACAAAGTCCACCAT
CCAAGCCGCTCTCTCGGCCTCATCATCTCCTTCTCCTTCTTCCCCAATCGATCCTCCCCCTGTTCTCCTGTTG
TCGCCTTGTCCCTGCCGGACACCACCACAGATCTGACCATCCCTCCCCTTGC GGCGGTGCGATCTGATGTCACA
AACCCAGCCCGAGCCCGAGCCCGAACC GTTGTTCATCGTGCCGTAAAGAAGGTGGGTTTGACCGGGTTCAAA
TGCAGATGTGGAACCACGTTCTGTGGGGCTCATAGGTACCCGGAGAAACACGGCTGCACCTTCGACTTCAAGT
CAATCGGAAGAGAGGAGATTGCTCGAGCAAACCCGTCGTCAAAGCCGACAACTAGAGAGGATTGAACG
AATTCTTAGGCCCTTATGACTA

>trans_s_3934 BT015667|Arabidopsis thaliana At4g02725 gene, complete cds

GCAACTTCGGCGTCTCAGCTCCATGTCTCCATAGTCCATAATCACCACACTACTTGAAAGTTGTAATACAAAA
CCCAATTCTATGGGAGCCCTTTCTCTACTCCTCGCAACTTCTCTACCATCCTACCATTTTCTTCTTCAACACAAA
CCCTTCTTTCTAACTTCGCTGCTTCTTCTCAACTCCTTCTTTTACTCCCAAATGCACAAAATTCGCACCAAACT
TTGGTTTTCGGGAAGCAATCACGCATCGATAACGATCCTCAGTTTCTAGATGAAAATGGGGCCGTCGATGATA
TGGATGGATACTTGAATTACCACTCTTTCGAATATGACTCCGTCTGGGATACAAAGCCTTCTTGGTGTCAACCA
TGGACTATAACACTGACAGGATTACTAGTGATTGCCTCTAGCTGGGTTGCTATAAAGTCGGTAGCAGTGACCG
CAGTCATACTCACATTAATATGCTTATGGTGGTACATCTTCTCTACTCATATCCAAAGGCTTATTCTGAGATGA
TTGCTGAACGAAGAAGAAAGGTTAGTGATGGACTAGAAGACACATTTGGTGTCAAAGGACACAATGATTAG
TTTAGAGGAAGAGTACACATGTATTTACCAACTTTTGCTGATATCTATCTAAATTCTATTGCTGATATTATCACC
GATACACGGATTATTTTAGTGATATCATTCGTAAATGATAAAGAAACAGGATTAGTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3935 XM_002882337|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S24, mRNA

AATGGCGGCAACTCCTAGGGTTTCATCACTATAACTCAACGTTTCATCACTATCTCTTTTCTCTTTGCCGAACC
TTCGTCTTCTGCTCTCTGCTACGCTTCGCTTCGCTTCACTTCACTTCAATTCATCCATTCGTCAACGACAATGG
CGGACAAGGCAGTCACCATACGAACCCGGAAGTTCATGACCAACCGGCTTCTCTCCAGGAAGCAATTTATCAT
TGATGTTCTTCACCAGGAAGACCTAATGTCTCTAAGGCAGAGCTGAAGGAAAAGTTAGCAAGAATATATGAT
GTGAAGGATGCAAATGCAATTTTTGTCTTTAAGTTCCGAACCTCACTTTGGGGGTGGAATCAACTGGGTTTG
GTTTGATTTATGATTCTGTTGAAAATGCCAAAAATATGAGCCCAAGTACAGGCTCATCAGGAATGGACTTGA
CACTAAAGTAGAAAAATCAAGGAAGCAAATGAAAGAGAGGAAGAACAGAGCGAAGAAGATTCGTGGAGTA
AAGAAAACAAAGGCCTCAGATGCTGCCAAGGCTGGAAAGAAGAAATGAGTTCACTGCTTTGTTTTGTGCCTC
TGTTTTTCTCTATCATGTCTTTATTTCTGTCCTGCTAAATTTTAATTCTTAAGTGGTGTGGGCACTGCCAATGAA
ATCCATGTCTGGAGAATTATTGACACCAATGTTTTTGCCTTAATTTTGAATTTGGGGAGTTTTTGCAGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3936 AB006601|Petunia x hybrida mRNA for ZPT2-14, complete cds

TGTGGGCATTGCGTCGATTGATGATCTAGATGCTGGTGGAGGGCCTCGATGACCATTTGCTGAAAGCCGTTG
AATAGCTCCTCCAGTCCAGGGCCAAATTCATTCCTACCAATCCCCCTCCAATCCCAATCCAAGCATTACCAA
TGGCCCATTCCTCGATTGTTCCCAATTTCCATCATCCCCACGAGTTTTCGTTTGCAAACCTGTAATCGTGAAT
TCTCCTCCTTCAAGCTCTCGGCGGCCACAGAGCATCGCATCGGAAGCCCAACTCTCCATCTCCGCTGATGGT
GTTTTTAATAGTACTAATCAGGTTAAGACGAAGGTTTCATGAGTGTTCTATTTGCGGTGTTGAGTTCCTGTTGG

GCAAGCGCTTGGTGGCCATATGCGACGCCATCGTAATTCTTCTCCTCCTCCGCCTGTTGTTAATGATCATCCAC
AGATGGGTCAGCCAGTCGTCTCCGATGAATCCGATTGTGATTGCGGTGTTGGTGGAGGTGTTGATTGGATT
GAATCTCACCCCCTTGAGAATGATCTCGTTCGCTTGCAAGTTGATGGCTCCCCAGTCGGTTGCTTCACATAAT
CATTATTGTTATTATTTGTATAAAATATTTAATTTCTTAATTTGATGATGATACACACAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3937 GU223224|Pisum sativum sulfiredoxin precursor protein (Srx) gene, complete cds

CTTCTTGCAAATTGTCCAGACCATAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGGGGAGGGAGAGAGGAAGTACGGT
CGATGATGGCCAATCTCTTCATTCTAAAGTTTCCAAGTTTCAGTTCCAGCTTAAGGACTGTCTCTGCTTCAGCTT
CATCAAATGGTGCTCTTCCGTTGTCAGCAGGGAGTGGCAACGGCAGTGGGCCAATGATCCTGGAGCTTCCTCT
GGAGAAGATACGGAGACCTCTAATGAGAACCAGAGCTAACGACCCTGATAAAGTCAAAGAACTAATGGACA
GCATACAAGAAATTGGCCTTCAAGTACCCATTGATGTACTTGAAGTTGATGGAGTTTATTATGTTTCTCTGGT
TGTCATCACTATGAAGCTCATCAACGTCTGGGGCTTCTACAATCCGCTGCAAATTCGTCGTGGAATAAAGA
AACATTGAGGCACCACCTACGTTGAATACCTACGTTGAAGTTTCAATAGGTTGCCTTACCTTCTGGTAGTAAAT
TTGCAAGTTCCATCAAACATTTATTGGTTATTAATGCTACAAAAGAGCTATTACTGAATTTTAAACAAACAT
ACTGTGTATATATCAATCATTGGAAATATTTCAATGTCAAAGTTTAGTTGTAAATAAAGTAAACCATTACTTA
TAGATCCATTTCAATTTCTTAAACTCTTACTCATTTGAACTTAATGCAATTGTCAACGATGAGATGGACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3938 AF240465|Arabidopsis thaliana Glu-tRNA(Gln) amidotransferase subunit C mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATTTTGGTTTCCGCCATTAGTAGTTGGATCGAAATGGGAAGTAAAGCTTTCCTCTGCTCAAAGGAGCTTCATC
ATTCCCATCGTTAAAGCGCCAAATCTTCATCTCTACCGCCTTCCATTCCCTCCTGTTTCCAACATCACAATCCGA
AAGTCTTCGACTGCTTCAGGAGTTTGTAGCTTCTTCAACCTCCTGATGTTTCTCGTTTAGCTCAAACAGCTCGA
ATCTCTCTCACTCCCACTCAGGTTGAAGAATTTGCGCCTAAAATTACTCAAGTTGTTGACTGGTTTGGGCAGCT
CCAGACAGTTGATCTTCAAAGTATTGAACCATCCATTAGAGCAGACACTGAAGGTGGCAATCAACGGAATGAC
GTTCTGAAACATTTGAAAATAGAGAGGCCATGATTGGCGCAGTTCCAGTATTCGATGAGCCGTATATCAAAG
TTCCCAAAGTTCTGAATAAGGAGTAGTTGCTAAGGTTAGATTGGTTGTTTCATCTGTCTCATTCATTATTGG
CATAGTCTTCAACACCTTATGTCAATTGAAATGATTAATTCTGCTACAGGTTGTTACTACATGATATTTGAATTA
AATTTGAACTAATCATCCATTAATCTTAACCTTAGTTGCAATGTGTAATTCATATCTAGTTAAAGGGGCGGATT
ACCACACATTCTGTGTCACATGAGATATTTATCCAAAAAAATTCTGTGTTGCGAAAAAAAACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3939 NM_001055105|Oryza sativa Japonica Group Os02g0823600 (Os02g0823600)
mRNA, complete cds

ACTGAGATTTATCGAAGGGTCCGTCAGTTGTTGAGATTCGCGATCGTCTTCTTCAATCTCTTGGAATTCGATT
GAAAATGGTTTGCTTGGCGTGCCTGTTGCCTCTGTTTCTATTCCAGTCGTCACGCCCTTCTGTTCTATTCTAT
TTAATTATGGGCAAAATTTATGGACTTTTTGGCTGGGAATATAGAAAACCGCAGGTGGTACCGCCGGCTTGTC
CCTATCGCCCTGCTGCCAAACAAAATAGCAATGTGGAGTTGGAACCTCTAGCTGGTCAGCAACACCCACCTCC
AAAACCGGTAGATGCCATGGATGATAAGCAAGACTGAGTCTGAACTTTCTTTGTACATACCTGTCAGCAAG
ATGGACAAATATTTGGGACTCTGGACTGGAATCTGTGGAAGCCGTTGATTTTAGGAACTATGATTCCAATCG
GTCAGAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAACTTCAAACCTTCAAACACTAATACCATCAATACAGTTCATTTTGT
AGTGCCTGCTTTCTGAATAACACCAATACAGACATTGTATGTATACTTTCTGAATAATTTAGTTGGATGGCTTG

AATATGTTCTCCTTAGATTTAGTTAATTAACGCTCGTGGATTCTTCTGTAGGAAGAAAAAATGGAATTGGCCT
AAAACATTACCTTAATGTCTTCCAACCTCTTTTGCTCCGTTAGAAATTTGACATTGATGTCTTGTCTGCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3940 NM_119482|Arabidopsis thaliana DNA binding / transcription factor (AT4G33280)
mRNA, complete cds

AATTATTTCCACCCCTGAACCTGTTTCAGTCATCAGATTCTGATATGGAAGCTACTCCCGTTAAGAAAATTGGGT
CATATGTTGAGCAATACGTATCCCATCGGAGGGCTATAACCGAAGGTGAGAAGAACAATGCCCTGAAGTTGG
CAGAAGCAGCATCAAGTGATACTGGTTTCAAAGTTGTTATGCGACCTTCACATGTGTACAGGAGATTCTTCTG
TTTATCCCCACCCAATGGGTTACAAAAAATCTCTCCCTTCGTAACCAAGATATAATACTTCGTGTCGGAAGTGA
TGAATGGCCAACCAAATTCAACTTTACCCCTAGTCGTCAATGTGGTGGCCTTACAAGTGGATGGAAACATTTTT
CAATCGACAACAATTTAGAAGAATTTGACGTCTGCGTCTTTGAGCCTGTCAATAAATCAAGTGGTCTGTCTGTC
CTGGAGGTCAAATCTCCGTGTCTGCGAAGATGTTATCCCTCTGACTCGTGTAGCATCAAAGAGCAACCGAA
AGCCAACCAAAGCACCTGAAGCTTAATTTGTGGCAAGTCCCAAAATATTTAGTACCTAATGTTAAGACCCAA
GATTCTCTGTCTGTATAATATTGTGTAGGTAATAACCTGCTTTAACTTACGATGTTTTGTAGCTGGGACCTGTC
CTTGGCCAACATTTTAGTTGATGCCATGCTAGTCCTGACTCCTGTTGTATGCACTAGTAGAATATCCAGTTTAT
GAGCTTTAGTTTCAAAAAA

>trans_s_3941 AL161515|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 27

TTCTTTTCCCTCTGCATACGCACTAGTGTTCCTTTCTTTCTTTTCTTTTGGTTTTTGTGTAATTACACC
AATCCAGAGATTCAAACACAATCACTAAAACATGCTTCTGGTTTGGATTATAAAGCTGAGTAGTTCGATGAAT
ATAGTCGCGATTGAATCCTTCTATTTTCTTTTAATTTCTTTGATTGATTCTGCTGTTTCTGCAGCTCTGAATTT
CGATTATATTGGGAACCTTCATTTTAGTCGTTTCGAGAAGTCTCCCTTTGTTGGATCATATTCTTCGGTGATCT
CGTCGCATCTTCGTCTGTCACGCCCCAACCGCTGTTGTGATTTTCGCCGTTAGAGTGTGATTCTCTAAATGG
ATCAAGAGGCTGCACGAAGTCTCGGGAATCGCTAGATCTCGCATTCATATGTCTAATGTACTTGACTCCGG
GATCGATCGCCACACTCTCTGTCTCATTGCTCTCTGTGACATGGGTGTGAACCCTGAAGCTCTGGCTGCTG
TTGTCAAGGAAGTACGGCGGGAGCCACCCTCATCAGAGACCAACGTATCCAGTAACAAGTCATAAGTTCCCCA
AGCAAAGAAACAAGTCTGTTCTTCTGATGAAGGTTGAAATACAAATGTGTTCTTTAACCATGTTCTTATATGTA
GCTTACTTGGATGGCATCTTGTGATAGATGGCTTGGTGTGTTAGAAATGTTTTAGCATTACAATCTTGTGTTCA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_3942 AF198964|Arabidopsis thaliana ATP sulfurylase gene, complete cds

CAATGCATTATGCGAGTCCAAGTGAAGTCCAGTGGCACGCAAAGGCAAGAATCAATGCAGGGGCTAACTTTT
ACATTGTGGTCTGATCCGGCAGGCATGGGCCATCCAATTGAGAAAAGGGATTTGTATGATGCTGACCATG
GGAAGAAAGTATTGAGCATGGCACCCGGTTAGAGCGATTAAACATCCTTCCTTTCAAGGTTGCTGCATACGA
CAAACTCAAGGAAAAATGGCCTTTTTTATCCCTCAAGACCTCAGGATTTCTTTTCATATCAGGCACCAAG
ATGCGAAATCTCGCAAGGAATAAGGAGAATCCACCAGATGGATTTATGTGTCCAGGTGGCTGGAACGTATTG
GTAGAATACTACAAAAGTTTAGTTCCAGCAGACAATGGGAGGATCCCAAAGCCAGAAGCTGTAGCAGCTTAA
ATTAATCTTATATACATTATAGTACATCAAATGGATTGCAATAAAACACTTTATCTTGTGTTGTAATATAAAT
TTGGCATTCCGTCAGGTGTCTCGAGCTGAATAAAGTCATTTGAGGCAGTGGCCTACCCCTATAACATATGTGC
ATATGGGGAAGTTGTAACATATAAGAAGTTTGATGCATTTCTTTGAAGTTGGTTAGTGGATTTTCATTTTTATG
TAATATATGTATGGTTATATCTCTGTCATTATATAAGTTTGTGTTAATGAAGTGAATCATTAGCTTGGTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3943 U96439|Pimpinella brachycarpa aminoalcoholphosphotransferase mRNA, complete cds

ACTTGCTTTTGGATTCTTAGTGGGTAGAATGATTTTAGCTCATCTCTGTGATGAACCAAGGGGTGAAAAGTGAATGTGCATGTCATTACTATTTCTTCCACTTGCCATTGCAAACGCTCTCACAGCAAGGCTCAACGACGGGGTACCATTAGTGGATGAAAGTCTGGTTGTTCTTGGTTATTGTCTTTTACTGGTGCTCTGTATTTGCACTTTGCGACTTCAGTCATTCATGAGATTACCACTGCCTTGGGAATCTATTGCTTCAGGATAACAAGGAAAGAAGCTTAAAGTTGGCTGCAGTTTTCTTACTCCAAGTGAAGTTGAATGATGCAGCTGCTACAAGCATTCTCAATATGACGACAAATCTGCATTATTGGGATTTTGAATTGAAATCATTTTTGGATGAAATTGATGAGGATAGTTTTGAATCCAGTGATTGTTATTCAATTCATCCATACTTCAATTGATGACTTATAAGATCAGTATAGGGTTATCTTAGGTGATTGTGACATTCTGAATCTTAACTCTAGAAAGAGAACTTAAAAAATGTAGTAGTATTTGATTCTTATTGTATCATTTATTATTACCTGTGTATTACCCGTGCAATACACATGTATTTAGGACTTACGATACTTGAATTATATTTAAATTCAAGTGATTGGTGAAATATTTGAAGTATAATTAATTTGAAATAAATTGGGATACAATTTATACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3944 GQ997276|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 RNA polymerase beta' subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CGACCTTTTATCTAAGCATGTAATGAATGGGAAGATCGAAAAGTTGGAAGAAGAAAGGATTTTTTGGTTAGACGTATGGAATTAGCTAAGCATTTTATTCGAACAAATATAGAACCCGAATGGATGGTTTTATGTCTATTACCTGTTCTTCTCCCGAGTTGAGACCGATCATTCAGATAGATGGGGGTAACTAATGAGCTCGGATATTAATGAACTCTATAGAAGAGTTATATATCGGAACAATACTCTTATTGATCTATTAACAACCAGTAGATCTACGCCAGGAGAATTAGTAATGTGTCAGGAGAAATTGGTACAAGAAGCCGTGGATACACTTCTTGATAATGGAATCCGCGGACAACCAATGAGGGATGGCCATAATAAGGTTTACAAGTCGTTTTCCGATGTAATTGAAGGCAAAGAGGGAAGATTTCCGGAGACTCTGCTTGGCAAACGGGTCGATTATTCAGGACGTTCTGTGATGTGACATCCCCCTTCACTTTCATTACATCGATGTGGATTGCCTCGCGAAATCGCAATAGAGCTTTTCCAGACATTTTAAATTCGTGGTCTAATTCGACAACATTTTGCTTCGAACATAGGAGTTGCTAAGAGTAAAATTCGGGAAAAAGAACCCATTGTATGGGAAATACTTCAAGGAGTTATGCAGGGGCATCCCGTATTGCTAAATAGAGCGCCTACTCTGCATAGATTAGGCATCCAGGCCTTCAACCTATTTTAGGTTCTTCATGTA

>trans_s_3945 XM_002882205|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GAGCTAGGGTTTCTCCCCCCCCAATCCTCTCTGTCTATCATCAATTTCCCCCTCCAATTCCTCTCCTATCTCAATCAACAAATTCAAAAAACAAAACCCCATCGATTTCTTCGTTTCTTCTGTGACTCCAAAAACAAGCAACCATCAATCAACCATGACGGGTAAGGCGAAGCCCAAGAAGCATACCGCGAAGGAGATCGCAGCTAAGATCGACGCAGCCACCACTAACAGAGGCGGCGGAAAGGCTGGCCTCGCCGACCGGTCTGGCCATGAGAAAGGCGGCCACGCCAAGTTTGAATGCCCGCACTGCAAGATTACGGCTCCTGATGTCAAGTCTATGCAGATTCATCACGAGTCCAAGCATCCCAAAATCCCTTTTGAAGGAGACAAGGTTACAAATCTCCACGCTGTTCTGTGTTACTGCCGAGGCGTCAAGACAAAACCGGGTGTGAGAGGCAGCTACAAAAGTGAATATAATCCGGATTCATGAGGATGGATGGTGGGTGGCTCAATTTTATGGTATTGGTACTTCTGTTTTTGTCTTTTTTAAAAAATCTTGGTCCTATGTCTTCTCTCTGTGCTGATGGAAAGTGGTTTTAACTTGTAAGGTGTTTGAGTAAACATATTCGATGTCCTTGGAGCTGAGGCTTTGCAATTATGTATATTACATAAAAACATGATCATTGTTGTTATGGTAACCATGGAGGTGTTTATGTTCTCGA

>trans_s_3946 NM_001057170|Oryza sativa Japonica Group Os03g0606100 (Os03g0606100) mRNA, complete cds

ATTAACTCGAATCCAAAACAGTGGAAGCGATGCTGTCTATTGGGAAACCACAATCAATTCATTCCTTGATGAT
TACCGACCAGTAGAGGGTATTATGATTGCTCACTCCGGTCGATCTGTAGTAACGCTTTTCAGATTTGGGGAAA
CAGCCATGAGCCACACAAAAACCAGGATGGAAGAAGCTTGGACAATTGAGGAAGTAGCCTTTAATGTCCCTG
GTCTGTCCATTGATTGTTTCATTCCCCCTGCTGAACTTAGATATGCTTCCATGAGCGAAGCCTGCGATTTCTCCC
GAGGACAAGGGTTGAAAAACGTCATGGCAGCAGCAGCGTATCGTGCCAAGGTCGCAGCACTAGAGAAGAAT
CACGACAACAAGGTCAAAGTTATCTGGAAACCAGATATCTGAACCAGCAGTCAACAACAACCTCCTAGCAAGCA
AGCAAGCAAATGCTTTGCAAAGCAAAGTAAGTGACAACACTAACTATTTAGAAGAGGATCCAAATCCAAGGT
AGCAGAACTTGTTGCTATTTTACGCGGCAAATTGTAAATAGATCAATAGTCATTCTCACACATTTTATTCCGT
GATCGAGCGACTCGCTCTCCTGAATCTTGGCTCTTATATTTAGCCTTTCTTGTCTTCAAATCCAACAGAAAA
TCTCTTTTCAATCGAATCACCATTGTTTTCTCTTGAATGTGAGGAGTATTAGTAAATGTAAATGGTCCTTTG
CTCTGTTTTCTTAAGGGATTGT

>trans_s_3947 BT012379|Arabidopsis thaliana At5g18850 mRNA, complete cds

CTCTTCTTCTTGCCTGATCTAACCATTTCAACTCCATCGCGGGAATCTCTGAGCTCTCTCTTTCTCTCTCTCT
CTCTCCAGACATAGCCACCGGAAACAATGGCGTCGTCGACGGCTAAGATTACGTTTCGTGTTATCATGGTGG
TGATCCTCCTCCTCGTCTTGTCTATGTCGGTCGTCCTCTGTACTGGAAGATTTCCGCTACTGTACATGATATTC
GTCAGAACAAACAGACCGTCAAAGAAGGCCTCTCTCAGATCGTTCTGGAAGCTCAGAAATCGGTGGGATGGT
ACCATGATGAGTCGGACTCGGGCGTCCAAGATGGAAATGATGGAAAGAAAGCCGGATCGGTTGCTATTCGG
AGGCTGCTTCATCAGGTTTTGTGAAAATCTCAGTTATTTGAATTGTGATTAGTCCTGGAGAATTGAATGGTTTG
ATATGCATTAGTAAAGTTCAATTAGCAGATCTGGATTTTTTTTGGCCTTAATAACGTGCTATAATGACTGAATTA
GCACCTGAATCTACTTAGTTAAAAGAAAGCAAAAGATAAAGAAATCGTAATGCTTCGGCGTTCAGTCTTC
ACTGTTTCCTTTATGCATTGTTAGTCACTCGAATGTGTGGATAGTGATATTTGTACCTTAGATGTAGTGACCTAC
TGCTTACGAAAACCTATTTTGACACAAAAAATAAAGAAAGATGTTGTTAGTCTGCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3948 NM_001066589|Oryza sativa Japonica Group Os07g0571900 (Os07g0571900)
mRNA, complete cds

AAATTACTTATCATACAGACATAAAGAATGCAGCGAGGAGATGATCTTCTTACCAGGTCTTCGGGATGGGCAT
GATTCGAAGCACTTCGTGAGACACCCTGATTGATTCCCCCAAAGCTCTTCAGATAGCATGGACTGCATCATT
ACCGTTTGCAAAGCTGTAGACAAAACATCGCTGGCTAGCAAGTGTTTACGTCGACAGACTTCAATCTCAAAC
AGTAATCCAAAATCAACTCAATGATTACCAAATATGCTGAAGAACTTTATATATTACATATATGAAGACGGTA
AAGAAGACGAGCCAAGAGAGGATACTCTAAATTCCTAGCTATCTCCGGGGCAGGCATGATTTCGTAGCCTTTC
ATCAGAACCCAGCTTGCCTCCTCCAGAACTCTCTTCTGCTAGCAGAGATTGCAGGTCACTACCGTTTGCCA
AGCTGTTAAATTCTACTGCCTTGGATGGCATCGTTGGATAGCGCCGTTGACAGAACGTCATCAATCTCTTGATT
GATTGCAGGTATTTCTTGTGTTTCATCATTGATATGAGCCACACTGTTGGTGTAATCTTTTACGAGCT
GAACGTTTCGTGAATACCAACCATAGTGACACCAATAGGCCATGGGGCATTTCATGAGGATGTTGTTGTTGTT
GATCCATGGCAGCTAGATAGTCTCGCTTCATGCAGCATTCAACAACCTACCAACAATGCTTGCCGAATATCATCG
GGGAAGAACCCTAAAAAAA

>trans_s_3949 BT005355|Arabidopsis thaliana At5g66675 mRNA, complete cds

ATTTTCATTAGGTCTTCCTTCATTTTCTTTCACCATGTTTCGTCGCCAAGATCCTCTCCTTCTTCCATTTTCGTGAG
ATTTCTTATAATTCTGATCCTTTTCTGTTTTGGGTACTTACTGGATTTTCATCGTTTCCCTCTTGGATTGGTCATCT
GTGTTTTGTTGGATCTTTTCGATTCTTCTTCAAATTGAGGTATCGTGTTCAATATAAACTTGCTGTTAGAAAG
TTTGAGAGTGATGAGAATAATGGAGATAATGGTGAGAGATATGTTAAAACATTTGAAGAGTTGAAGAAATTT

CAGGAGGCTGGGGATCCATTTGGTGAGGAGTTTGTTACATTATTCCGGTCCTTGACAAAGAGCATTTATCTA
TGTTCAAGAAGTTGCAACGTCAAAAGAAGAAGCTTGACAAGAAATATACGACCATGAAGACATGGAAGACGG
TGTCGAATGTCATTTTGGTTACTGCATTTGCTTCCGTAAGTATTTTCGGTCCGTAGCAGCTGCAATGTCTGCA
CCTCCCGTGGTGATTGCATTGGGTGCTGCGCTAGCTGTTCCAATGGGTCCAGTTGGGAAATGGTGTAAACACGC
TGTGGAACCGATACTTGAACAGCATTAAAGTTGAAAAGCAACTTCTGAGCTCTATGGAAGGTCACAGCTTCAT
AATTCTAAAGGACTTTGAGAACATTAGATTACTCGTGCGCAGATTATCAATTCAATTAGGTTTCGTTACTGCGAG
GCCTTATTGCCAAGTTT

>trans_s_3950 NM_100307|Arabidopsis thaliana MPI7 (CAMV MOVEMENT PROTEIN INTERACTING
PROTEIN 7); protein binding (MPI7) mRNA, complete cds

AAGTTTGGGAATTGGGATCTTCTCTCTTTGTATTTCTTGCCATTTCCGAGCTCCGGCGAGAATTTTCAGAGTT
TTATACCAATGTCTACCGCTGAATTCGCCGTCATTTCAAGGAAGCCGGTCGATCCGTCATCGCAACTCGCCGT
CCATGGCGGGAATTCCTAGACCCATCAGCTCTCAGCCTCCCTTCTCCCTCTCCGACGCTACGACTCGGATTTCT
CATAACTTGACCCGTTTCTTTCCAATTACTGTCTTGTCTGCTTCTCATTTTTCTTGGCCTCATTTACCATCC
ATTTTCCATGATTGTCTTCTTACTCGTCTTTGTTGCCTGGTTCTTCTTTACTTTTCTCGCGATGACCCAATTAGG
GTTTTGGTTTTGAGTTGGATGATTTGGTTTTGATTATCATTCTTGGATTGGCTACTGGTTTTGGCGCTGGCTTG
ACTGGGGTTTTTGTGAATGTGCTGATTTCACTTGCAATTGGGGCTGTGGTGGTTTGTCTGCATGCGGCTTTGA
GGAGTACTGAGGATCTTGTGGGGATATGCAAGACCCTTTGGGGATCCCCTTTGGAGAGTCCAAGAGGTG
ATTACAGCGGTATCTGATTGAATGTGGGTTTGTCTCGAGATTTAACCATTGAACTTCTGTTTTCTTTTCAATT
GGTTTAGTGATAGGAGTTCCTTAGTTTTCTGGTCTATATACTGGTATTTTATAGATGAAATGTACATTGCAGAAC
ACAATGAATT

>trans_s_3951 XM_002319233|Populus trichocarpa histone 2 (HTA903), mRNA

TGATTATATATTACTCTCTCCCGCCCTCGCCGAAAATCGCCAATATCTCCTTCCCTTCCCTTTTTCTCCCTTC
CATCTTAACAGATCTCAATTAATGGCCGGTAGAGGTAAAACCTGGGATCCGGAGCCGCCAAGAAGGCCACC
TCCAGGAGTAGTAAAGCCGGCCTCCAGTTTCCCGTCGGTCGTATTGCTCGTTTCTTAAGGCCGGCAAGTACG
CTGAGCGTGTCTGGTGCCGGTGCTCCTGTCTATCTTGCTGCTGTTCTTGAATACCTTGCTGCTGAGTTTTGGAA
CTCGCTGGAAACGCTGCTAGGGACAACAAGAAGACGCGTATTGTTCTCGTCATATTCAGCTTGCTGTACGTA
ACGATGAGGAACTCAGTAAGCTTTTGGGAGACGTGACTATTGCTAACGGTGGGGTTATGCCCAACATTCACAA
TCTGCTTCTGCCAAGAAAACAGGGACTTCATCGAAGAACGCTGGTGGTGACGATGAACCCTAGTTCTGTTTG
TAATAGCACCAAATGAACTGAATCTTTGAAATGTTTATGAAATGTGGCTCTGGTCAAGATAGTGTTCCTCCT
TGCTTTGACATCTATTATTTGTTAGGTTACGAATCTTTGCTTATGGAATTTGTAATAGTTTCGAGGAGTAGTGCT
AGAATTTACCTAGTGTTGTGAATATCATCACCATCATCTATTAATATCACCTCCTACTTGTTTTTCAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3952 DQ444293|Camellia sinensis cyclin-dependent kinases regulatory subunit mRNA,
complete cds

AGAGCCCTAGTTGAGCCTTCAGTTCACTGTTCTGACGTTGCTTCATTTCCGCGATCAAACCATTTGAATCCGCTT
CGTTGTATTGTAATTCTCTCTGGAAGACGAAGATCACTCAGTGATAGATGGGTCAGATTCACTACTCTGAGAA
GTACTTCGACGACATTTATGAGTACAGGCACGTGGTTCTCCACCCGAAGTCGCAAAGTTGCTTCCTAAGAATC
GTCTGCTCTCGGAAAATGAATGGCGTGCAATTGGAGTTCAGCAGAGTCGTGGGTGGGTGCACTATGCTATTC
ATCGTCCCGAACCGCATATCATGCTATTCAGGAGGCCCTGAACTACCAACAGCAGCAGGAGAATCGCACTCA
ACAAAATGCGCTTGCTGCTAAATGATTGCTTCGTTAAATGCGCTTGCTGCTAAATGATTGCTTCGTTTTACTGAT
TTTGTGAAGTGCTACTATCCAGAAAGAAAGGAGTTAATATTCAGTCATAAGCATATAATGGTGTTAAATGAA

ATATCCTGGTGTCTGTGGTCAATTCTCTTGCTTAGAAAAATCGGCAGGAGTTTCTATGTTTACTTGAACCTCTGTAT
GTTTGTAGAGGAGGCTTATATATATGCATACGCCCTGTATCTTTGCTGGACACTGCAATTTCTTGAATTTAGAA
GCAAACATGGGTTTTATGGATCTTGATCCTTAACTTTCTGTGCAGAGGTGAATTGTTTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3953 NM_126390|Arabidopsis thaliana uvrB/uvrC motif-containing protein (AT2G03390)
mRNA, complete cds

GTACGAAAGCAACGAGAAGAAGTTTATGAGATGCTATGTCTGTCTATATGTACAACATTGATTCAGAATTTTC
AATTATCAAGTTACATGAAGTCTCTTGAAAATCAATGAAATGAGATGAACAAACCATTTTGGAAGGTGTTGG
ATCACGGATTCTGAAGATGTGCGTCAATCAATCGTCGCCCTGTTGCTCATCATCTTGAGGATCAAAAGGAATT
TCGTGCCGAGGCCGATTGTACTTCTCTCGTAGTTGCTTTATAGGAATGAAATCCCCGGCTGAATCCACTCCATA
GAATAAGAAGGAACATACGGATGGTCGAACCTCTCCGTATCTGGTTCTTCGGGAGCAAGAAGATTTTCCTCG
GCAACATATGCAACAGTAAATCTGGGTCTGTACGAACATCGACTAAAACCTGATAAAATGGCTGATTAGAAC
CTCGAGATAATTTTTCAACTTGTGCTATCTCCATCCAAGAACTTGATTACAGCACACAGGATCCATTCCACAAA
CCACACCTATGTATCCAAAAATTTTGTGCCTCACTTTCTGTCCAATCTAAACTATATTACGCACTTTCTGTAAG
CCAGAACTTTTGCTGATGCAGCTAGGGACTCAGTTTCCAATTTGAAATTCATCCCGCAGTTGTGCAGCCAAA
GCATAATTTTCACTTTCAATAGCCTTCTGCAAATCTGCGCGTAAACGAATGATATTTAAACCTTTGTCTTGAAC
TCGCTCTTTGAAGTTAAC

>trans_s_3954 XM_002314022|Populus trichocarpa silencing group B protein (SGB901), mRNA

ATCGTCGATATTCAATCTCCACCGTTCCATCTTCAACCCTAACCTAATTCCTCTCCGATCACCGTTCTCAGCCA
TGGTCTGCATACGCAAAGCAACCATTAACGACCTTCTAGCCATGCAAGCCTGCAATCTTTTTGCCTCCCGGAG
AATTACCAGATGAAATACTATTTCTACCACATTCTTTCTTGGCCTCAACTACTTTACGTCGCCGAAGATTACAAC
GGCCAGATCGTCGGCTACGTTTTGGCTAAAATGGAGGAAGAAAGCAACGAGTGTGTCATGGTCATATTACCTCCC
TTGCTGTGCTTCGTACTCATAGGAAGCTCGGTTTAGCTACTAAGCTCATGAATGCGGCTCAGAACGCCATGGA
ACAGGTTTATGGAGCGGAATATGTCTCCCTTCATGTGAGGAAAAGTAACAGGGCTGCTTTCAAGTTGTATACC
GAGACTTTGGGGTATAAGATCCATGATATTGAAGCGAAGTATTATGCCGATGGCGAAGATGCTTATGATATG
AGGAAGCAGCTTAAAGGGAAGCAAATCCATGGGACTGGACATCACCATCACCACCACCACCACCATCACCATC
ATCACCACCATGGGCATGGGCACGGGCATCAGCATGGTGGTGGGTGTTGTTCTGGTGGTGATACTGGGAATG
TACTGAGGCAAAAGCAGAGTCTAAGGGAATGCATCGAAAGTGGACTCCTCAAAGCTTAATGAAAAGCTG
GATGAGGTAGTATGGTGTGATAAT

>trans_s_3955 EU375352|Glycine max transcription factor (WRKY22) mRNA, complete cds

TGCAAGGAAACCATCTGCAAATTTTGTGTATAACTGTGCTGTGATGGGATGCTGAACTTAAAGAAGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAGAAAAAACCAAGTGTGTTGTGCTATGCTCTCCATTGATGGTGGTCTC
ACACTTCCAACCTCCAAGATGAATTGCTGAAGATGGGTTGTTTTCTTCTTCTTCTACACATGATTTTAGCTGA
TGAGTTATTTCCATACTCTCTCCAGATATTTTCAACCAACTGCGCAGGGAGGCGTGGGGAGGAATTGATTTTA
CTCAAGATTTTATAGAAAACTTTCCATGGAAGGAGATCTTAAAAAGAGAAAAAATATATAAATATATCATTT
ATTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTTATCAATCCCCCAACCCCAGGGGG
GGCCCCGACCCCAATCCCCCTAAAGGAGCCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTACACCCCCGGG
ACGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTAATCCCTTTGCACCACTTCCCCTTTTCCCAGTTGGGAAAAAAC
AAAAAGCCCCCCCCCATTCCCCCTTCAAACATTTCCCACCCTGAATGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCGC
CCATAAACCGCGGGGGGGGGGGGG

>trans_s_3956 AF289255|Lycopersicon esculentum nuclear matrix protein 1 (NMP1) mRNA, complete cds

ATAGACGAACAAACGAAGAAGAAGATGGCAGCCAGGCAAATGGAAGAGATTCAAAGGAAGCTATCATTGCT
CAATTACCCCAGAGCCAATGCTCCTGCTCAGTCCCTCCTCTTTGCCGGCATGGAACGCTATGCCCTTCTTGAGT
GGCTCTTCTCCGTTTGTGGGTGATAAGTCGCCGTTCTCCAACAAAATATCCAAGGAGATGCTATTGATCGC
GATGAAGAACTGGTCGCATTAGTATCTGACAGAAATTGCAAAGTTTCTGGGTATTACAACCACTATTGATA
CTGAAGTTATCCAAGGACGAGGAAGCTACGAGGAGCGAACTGAAATGATTGCTTATTGTGCGATCTTGTTGA
GGCAAGCATCTATGCAGATAATCCAGATTGGAGTGTTGATGAGCAGGTAGCCAAAGACATACAACCTCATCGA
CTCTATTGCAGAGAAACAGGCTCAAATATTCTCAGAAGAATGCAAATTGTTTCCTGCCGATGTTCAAATTCAGT
CTATATATCCATTGCCAGATGTTTCTGAGCTGGAACTAAGCTCGCAGAACAATCCAAGATACTTTTGAATCTT
CAACAGAAAGTTGATGATTTAGCATCAAAGCATGCTTACAACCCAGATGAAGAGTATACGGAGGTAGAATCTC
AACTGCGGGCACACTTGGAATCTTTTCTTGAAACAGCAAGATCTTTTAACATTATTTACACCAAGGAAATCCGT
CCTTGGACACACATGATGGAAGTTC

>trans_s_3957 U17111|Solanum tuberosum (sts14) gene, complete cds

AACACAACCATTTTCACTCTCCTCACGAGACTCAAAGTTCAAACCTTTGCAAAAATCCTCAAGAAAACTCAAA
CCCCATCGGAAATGGCCATTAATCAAGTTGTCTACAACCTTCTAGCCTTATCACTTCTAGTCCTAATACTCATAG
TCCAGAGTTCTGCGGCGACGCCACCACCAACGGCAGCTCTATCGCCAGCAGCAAGTGAGTACTTAGAAGCCC
ACAACAGAGCAAGAGCAGAGGTGGGTGTGGAGCCTCTGCAATGGAGTCAAAATCTGGCGAATCTTACAGATC
GACTGGCTCGATTCCAACGCAACCAAAAGGGGTGTGGGTTCGCGGAGCTGAGCGGCAGTCGGTACGGAGGA
AATCAGATGTGGGTGAGTGGACGTGTACTGACGCCGCGGAGGCGGTGGAGGAGTGGGTAAAGAGAAGG
CGTTTTACAATCATACGAGTAATACGTGTGTTGGGGATCACCATTGTGGAGTTTATACTCAGGTGGTGTGGCG
GAAGTCGAAGGAGGTGGGTGTGGTCAAGCTACTTGCCGAAAGAAGGGATTAGTTTGACCATTTGTTTCTA
TAACCCACCCGGCAATGTCATCGGTGAAAGTCCTTTTTAGATAAAGAGGTTTCTTCTTTTCTTTTCTAAGAAA
AAAAAATGTCAAAGGTAAGATAATGCAATGTGACGTTGTTTAATAAATGCCTTTGTTGTGTGGGAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3958 NM_001053989|Oryza sativa Japonica Group Os02g0620400 (Os02g0620400)
mRNA, complete cds

ATAGTATTGAGATTCCTTTCCTTTCCCAACTTTCTCTCTCTCTCTCTAAATCCCCCACAACCTCAACCCTCTCT
CTTTTCCCCTTAACCTTTTTGTAAGGCAAAAGAAAATAAGGTATCCATTGTTGGAAGAAACCTTCTGAAGCCC
TCTTTAACATGGCAAACGAAGAAGGAGGCAACAACAACCAACAACATCCCTCAACAAACAACAGTCTCAA
AATCATTGTAGAAAGAAACCTTCTCAAGCCAAGCTTTCACAACCTCAACATCCATCGTTGGCCAAAATGGGGTT
GTTCTGCTGGAAAATATCAGTTGAAATTTGAGGCAGAAGAGACTTGTTATCTAGTGAAAGGGAAAGTGAAAG
CTTATCCTAAAGGAATTGATTCTTCTTCTTCATCGTCATCATCTTGTTGTGAAGAATATATTGAATTTGGAGCTG
GGGATTTGGTCATTATTCCTAAAGGACTTAGTTGCACTTGGGATGTCTCTGTTGCTGTTGATAAATTCTATAAG
TTTGAATCTCAATCTTAAATTTTAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATATGAATCT
CAACGAAGTACATAGTTCATTCTTAACTACCGATACTATTCGAGAAATCTTAGTACATAGTTCATGTTTTGT
CGTTAGGAAATAATATAATTGTTCAACTCATAATTTAACACCATCTATATCAATTTTACAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3959 AY143972|Arabidopsis thaliana At5g03040/F15A17_70 mRNA, complete cds

CAAATACCCCTTCGTTGCATGCAGACTTTGGCTCGTGTTCAATCTCAGATCCATTTTAGGAGGGTTAGGATGTTG
GAGGAGAATCAGGCTCTCCAGAAACAACTCCTTCAAAAGCATGCAAAAGACCTTGAGAGCTTGCGGATTGGA
GAGGAATGGGATGACAGTTTACAATCAAAGGAGCAGATTGAAGCCAGCCTACTGAGCAAATATGAGGCTTGC
AATGAGGAGGGAGAGAGCTCTTGCATATTCCTTCACTCATCAGCAAACCTGGAAGAATGCTGCAAGGTCTGTC
AACCCAGCCTTCATGGATCCAAGTAACCCACCTGGGGTTGGAGCTGGTCGGAGCGATGGAGTGGGGCTCGA
GTGCATGATGTTCTGATCCAATAGGAAAAGAGTCAAACAACAGTCATTCTGGTAAGAAGATGGCAAGTCGT
GGCGTTGTGCGGCGGCGAAATCAGCAAATCATTTGCCCCGCTTTCAGTTTGAACCTCAGAGATGGATTCCCCAAC
AGGCAGTCAAAGACAACCTATTCTGCTTTCAGCCCTCCTCAACTCCTTCCAAGCCAGCTCCATCTTCTGCTAT
AAAAAACTGAAGCCCCAAGCCCAAGAATCCTCTCCCTTCATGATGATGACTCGAAAAGTATCGTCAGCTTG
CAGTCTGAAAAGATCACGAAGGCATAGCACAGGAGGACCTTCCGTGAGGGACGACGATAACATGTCTACAGCT
AGTGCTGTTTCGTAGTTATATGACGCCTAC

>trans_s_3960 XM_002873938|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein
L7Ae/L30e/S12e/Gadd45 family protein, mRNA

AAAACCCTAATTTTTTCTTTCAAATTTGCTGTCGTTCCATTAACCCCTACCTTTCTTCTCAATCTAAAATGA
CAGGAAAAGCTGTGAATCCCAAAGCCTATCCTTTAGCTGATGCTCAGCTTACGATTACCATTCTTGACCTCGTT
CAGCAAGCTGCTAACTACAAGCAGCTCAAGAAGGGTGCTAATGAAGCTACTAACACGCTGAATAAAGGGATT
TCTGAGTTTGTTGTGATGGCTGCGGACACTGATGCCGCTTGAGATTCTTCTCCATCTTCCCTGTTGGCTGAAG
ATAAGAATGTGCCTTATGTATTTGTCCCTTCAAAGCAAGCTCTCGGCCGAGCATGCCGAGTCACAAGACCTGG
AATTGCATGTACCGTAACAACAAACGAGGGGAAGCCAATTGAAATCTCAAATACAACAACCTGAAGGATGCCATT
GAGAAGCTGTTGATCTGAAATGTTATATATATTCTATATGGCATTGCGGTATGATGGGCTTCTTTGATCATCGTC
ATGATCACTGCTCTGGAGGCTTTGACTGAAGTTGTTGTGCAATTAGGGGAAAAAATGTCTGGTATTAACCTA
TATATTGAGCTTCTTCTTCTCTCTTGTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTT
TACAATTTTAATGAAACTTTAAGCTAATGTTAACGTCTTTATCCTTGTGAGTTTGCCCTATAAAATGAATCAAGA
AACAGGGCTGGCTT

>trans_s_3961 GU227355|Punica granatum RNA polymerase alpha subunit (rpoA) gene, complete
cds; chloroplast

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCAATTTCTCATGAAAAGTAAAAAGGGGTAAAGTAACTTTTTGTTTA
TTATTTTAAAATGGAAGTTTCTTTTCTTCTTCCGCATGTAAAAAAGGAATAAATAAATCAATCAAATTCCGA
GAGGCTTCATGAAGTGCTTCTTTAGGAGTTAACTTCCATTGGTCCATATTTGAGAAAAAGTATCTCTTGTTTT
TCATTCCCATTGTGCGCAGACGTCACACTATGATTAAACATTTGAAACAGGCATGAATATAGCATCCATAGGATA
ACTTGCGTCTTGAAAATTATTTGGCGTTTGATATGATATCCGCGATTCTCTCGATCTTTAATTCAATACAAAA
ATTAATTGGTTCCGTTAGGTTAGCTATATGCTGTGTATTATCAACGATTTCCACCGAAGGTGGTAAGATGATGT
CTTGAGCAGTTACGCATCCAGGACCCTTGACACAAATAGACGCATCACGAGTTCCATACAGATTACTTCTCAAT
ACAATTTCTTTCAAATTCATTAATTTTCAATGTACTGATTCTTGAATACCGACTATGGTAGAGTATTCATGTGGG
ATTTTTTCAAGTTTGCACGTGTGATACATGTTCCCTCTATTTCTCCAAGCAAAGCTTTTCGCATCGCAATGCCT
ATAGTATCCCCTTGTCCTTCATAAGTGGAGACAGAATAAAGCGTCCATACAAAAGACGCCAAAGTTCTCATTT
GAATATTT

>trans_s_3962 Novel Gene

AGCGATCTCCAATTCCTTTAGAGGCTCATATAGCCTGCCCGGTGATTGTTTTTGAAATGTTCTGGAGGTATCTA
ACCTAATCATTGGAGTTATTTATCTTATGTATGGTGAACCTTCTAAAGGTTTGGATGATCTCCGTTGAGGTGAG
ATTTTCCTGTATTACAGGTCTCTAATCTATTCCAAGAGGTTTTTATTCTTAGGGTTTCTTTTTTTTTTTTTTTGA

TGTTGTGCAATTAGTTTACAGGATTCCAGAGTAACGAGAAAGAAGATACATCCAAAAACATACATGTTTCATT
AGCATGTCTCCTTCGGTTACGGTTACCTTCTGTATATACTTGAAAAGAAAAAGTACCTTTTGTGGAAATTGCA
AAAAACTATCACTTTGTGAGCAATATTTTTGCTTTAGATTGGCATGTATTCCTTTCTTTCCGTTTCTT
AAAAATGGGGGATAAGATCTATTGAGCGAGGAACTTTATTTTCTAGAGGTTTCTAGGCTGCTCTCGGATGTA
AGCTGTAGAACCATACGAAAGCATAAATCTTAACTTGTGCTTCTGTGCTTCAAAGAGTTCCATGGGAGGAG
TAGATACATCTAAATAGTTATTAGTCTTCTGTGCATCTATTTAAATGAAATAAAAAAGTTTATCTCCAAGTATCA
TTTGTAGGCGATCGGTAGTGCAGACTAAATGGTCGTTGAAATATTTCCAAATGATATTCTAATATATAGATAAA
TAGAACAATAAC

>trans_s_3963 HM122441|Malus x domestica ARF domain class transcription factor (IAA11) mRNA,
complete cds

AGTTCCTATTGGTAGAAAAATAGATCTCAATGCTTATGACAGCTATGAAAACTTTCTTCTGGTGTTGATGAAC
TTTTAGAGGCTTACTTGCAGCTCAAAGAGATTCTCAGGTGGTGGCGTTTTGAACAAGCAAGAAGAAGAGA
AACCGATCACGGGTTTGCTAGATGGAAGCGGGGAATATACTCTTGTTTATGAGGATAACGAAGGAGACAGAG
TTCTTGTTGGCGATGTCCCTTGGCAAATGTTTGTTTCGACCGTGAAGAGGCTGCGTGTGCTCAAGAGCTCTGA
ATTACCCTCCTTGAGTCTTGGCTGCTCGAAGTCACAGAAGATGGTGCACGACCCTTCGACTAAGTGAAGGAAG
AGCTTTTTAAATCTGAAGTTTGAGAATAGACATTGAATGTTACCTTCTATAATTTGGCATCTAATATTATTATG
AGGTTGAAGAAATTGGAGAGAAAAATCATCTCACTAGTAGTAGCATGCTTAATCATCCATCCCATAGAGTTT
AATGGGTTATGCTTTTGGTTTTGTAATTTCTGTAAGTTCTGTGAAATCAATCTGTCATCTTTTCTTCTGTAGA
AAGCCTGAGTTAACCAAGTTGTTTTGCATTGTAACACCAAACAAGTGAGTGATTGGAGTTTAAATATAAATT
CCAGTTAATCGGAGAATCCATCATTCTCCAATAAACTTTTAAGTAGGAATTTGTTACAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3964 AY307050|Hyacinthus orientalis cultivar Delft Blue DNA-directed RNA polymerase II-
like mRNA, partial sequence

TCGGATATCAGAAAGGGGTTTGGGCAAAACCTCTCGGAACCCTAGAAGGCGAAGTTGGAGGCATCGTCGGTC
GGCGACAGAAGAGAGTGAAGATGATCATTCCAGTTCGTTGCTTCACTTGCGGAAAGGTGATTGGAAACAAAT
GGGATCATTACCTTGATCTTCTGCAGGCAGATTATTCAGAAGGTGATGCACTTGATGCTTTGGGTTTGGTTCGC
TACTGCTGTAGGCGAATGCTCATGACTCATGTGACCTTATTGAGAAGCTTCTTAATTACAACACTCTGGATAA
GTCTGATACCAGTTAGCCAAGCGACGAGTTTTCTGATTTTTACGTGCAGCCGTATTGGCTTTATGATGGTGTT
TGTGTTCAATTATGAGAAAAGAAAACTACCGGAGGGCTCGAGTTAAGCTATGTCTTGGCATTCTAGTTTGTT
TAATTATGGATTCATACGGACTCGAGTACTTAATCTTCTACGTGTTTATTAGTATTTAGGAGTTGTATATTAGAG
CCGTGTAGCATTTTCCATAGGATGCAGTACTCATTGATTTTAGTTCTCTGACGTTTTTGTGGTGTTTACATCCA
GTTAAGAGAACAAAATTTATAGGATCATGTAGTGCAAGATTGATTTAAGCTATATCTTGGTGTCTGGTTGGT
TTGCTTATTGATACATACGAACCCAGGTATTTAATCTTCTATGTGTTTATTAGTATTTAGGAGATATATGAGAGT
TGTGTAGCATTAATAAAAAA

>trans_s_3965 BT024556|Arabidopsis thaliana At5g03345 mRNA, complete cds

AGGACAGGTGATTGCAATTTTCATAGATCGAACAAAAAATTGTGGATTGTGGAGCTAAGCAAGGAGAAGATCC
CATCTATATTGCTTCACCTTCACTTTGGAAGTTTTCTTCGCCTCCGCCGTCATCAACATCAACTCTTTGGTAGCTG
AGATCCGTCGAGTCGAGATGGGAGTAGGTTTCGTGGTCGGTGTTTTCGGAGTTCTAATTCTCGCTCATGCTGC
TTATTCCACCATTCATATAGGAGCTTGTTGAAGATCATGCAGGAAGAGTTTTCTGGCCCTCCGTTTCATGTGG
CAATCGAATTGATTCTAGGGTTAGTTTTGTCCATGTGGGCTGCACTACCGTGCCAGGGAAGTTTCACTCGATT
AATCCAGAAGCCGAGGAGAATAGGATAGTTTCTTCTCCTGCGAATCAAGATTTTATGGTCTTCAACCACCGAG

GCAGACTATTTCCCAAGGAAGCAGATTTGAAGCTGAAACACTGAGATGTCTATCATGATTAAAGTAGACCCTG
GGGAATTCAACTGGAAGCAGAAATGGACGTTAAAGAGAGCATAAAGGAGATATTGCTGCGCTCCATCAATC
TAATGTTTCTTCACTTGTTTATTATTTGGATACTGTGAGGTTTTTCCATGTTTATTTTATTTCTCTGCCTCAAAA
CAAGGTTTTTCCAGTGTTATCGAACTAGGCTCTGAATCAATACAAAAGATTAGTATGTGTGTTTCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3966 AY111747|Zea mays CL10790_1 mRNA sequence

ATTCTCATTCTCTCTTTACCTCTCCCTTGCCATTTTGCGGTCAATGTTATGGATCTTGTTTACAAGATACCTTC
ATCCGATGTTTATTTATCTTTCCCGTGCCTTGATTGCCTGAAGGAGTTTAAATTTTTTTTAAACTTGTTGATAT
TTCGGATCCAAGTGTACTGATTCAATACATTTGTTTCATTTGCCAATGGCAGTGATGACAAATTCATATACCA
TCAAATATGAAAACACTGCCTTCTTTGTAGGAGCTTATCTGCTCGTAATGTATGGAATACAAAATTGCATTAA
GGCAATAAATTAGAGTCTCTGAGGCGCTCTTTTCCGTAGCGTCTACAGCGCTGTACGTTGCCAACAAAGAATTT
GGGGCCGAGATTCTGGCACTTTCTTAACCTCAAACGCCGGCTGTCTGACTTTGGAGGACCCTTTACAACCTGC
GTACAGGGATTAATTGTTAAACAAGACGCTGAACAATGCGCTGATTTCTTTCCGATCTTGATTGAGGAATGG
AGGAGCATTTTCATTAACAAATGATTGTTTAATGAATCTGTAATCCTCACCTTTTATAATAATTTTGAAGACCAT
ATGCTTCACCAAGAAAGTTCAAGTCAATTTCAATGGAAGGAACAATTTGAATGTAAGATTGATTATTCAAAGT
TTGAAATTGGGTCATGTTCTTGGGATGAATACTATGTGAATGAATCGATGGACTTATGAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3967 XM_002519929|Ricinus communis 2,3-bisphosphoglycerate-independent
phosphoglycerate mutase, mRNA

GGGCCGGGGCCCCCCCCCGGGGGGGCGGGTTTTTAAAAATTTTTTGGGGGCCGGGGGGCCCCCTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTAAAGTTTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTNGAAAATTGGAGGGTTGTTCAACCCTCAATTTAGCTATTCAAATCTTCAGA
GTCAACAAAATTTCTCAGTTGTTATATCCTCCCCCTTCATGGTCTAGTTTAAACATAGACTGACCATAAACAAAGG
AACATGAATCCAAGGATCAAATAGGGTTACTTATTCACAACCTAGCATGCATAGCCATTGCTAGTCTTCTCTC
TGCTCGATTGATTGTAACAAACATAATCTTAATCGGATAACTGAACTTCCCATCTCACTCAGCTTAACCATCGACA
ACTTCAATTAGGGTCGTCTCATAGTCGCTTGAGCTTCATAGCCATGGAGATTAATCACAGTTGCAGCAACATT
GGCAACCCTCCAGTAGGAACATCATTACGGAATCTAACTCCAGGGGCCAGTCCTGGACCTCCAATCGCAATA
GGAACCGGCTGAAGAGTGTGAGAAGTGAGGATTTGAATTTGCCACTTTTGTCAAGAAGAGGCTCCCCAGAC
TTGCTTCTCTCACCATGTCCTCTGCATTTCCATGATCTGCGGTGACAACGTAAATTCCCCCTACTTGTTCAATTG
CATCG

>trans_s_3968 FJ771992|Vitis vinifera cultivar Cabernet Sauvignon stress induced protein (SIUP1)
mRNA, complete cds

CCACAAAACCCATAACTCAAAAAACCTCTCCAACCCCATATCCCCCACTTCACTTAAAGCCTTTGTTTCTCTCC
GTCCCATGGCTTCCCATCAAACCAGACCACCTTCAACGCCTTATTACCTCTAAACGACCAACAACAAGACGAC
CTTCAAGACATCGACGACTCCATTTCTCAAATGGGTGTGGCTGTTTTAGCTGTTCCGGGTTCCGGATCCAATCG
GAATAGGAATTACGAAGATGCAAATCTTCTGCAACAGAAACAAGGGAGGGAGGAGAGAGTTGGATGGTGA
AGAAATTGAAGAAGGTGAAGGAGGTGTCGGAGATGGTGGCTGGACCGAAATGGAAGAATTTATTAGAAAA
ATGGGTGGATATTTGAAGGGGAAGAAACAGAGGAATCGATTTAGTATGACCCCGAAAGCTATGCTTTGAAT
TTCGATGGGGGTTTTGACGGAGAAGAAGATGATCATCATCCACCTATTGGGTTTTCTCGAGGTTTGCTGTGC
CTTTGGCTTCTAGGGAATAACATTGAAGCAATTAATTTGAGTGATTGATTGATTGATTGATTTCATTGTGATTG
TTAATGGAAATATTTGCAATGTTTAATTATATACAAAAGCATTACGATGTGTTATTTGATTTGTGTGTATATA

TATTATTGACAAAGGTGGAATTTTGGGAAGGGATGAATTAACTCATTACAAACGGAATATCATTTGACGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3969 AY295342|Cucumis sativus poly(A)-binding protein C-terminal interacting protein
243 mRNA, complete cds

ATCCCATTTGTGGACTTTGTTGAAATTGTTTCTCTCACGAAAAGGATAAGACTTCCAAATTTCTCACTGTTTTT
CCAAGTGGGTCTCTCCGATCTGGTAAATTTTCTCTCTAATTCCGTTGAATTCGTCTCTTGTTCGTTTTCTG
TTTCGATCTCGAGAATACCGGAGGAATAGGATGATGATGTTGATGAAATTGAAAGGAAATTTTCGGATTAGAT
CTGTGCGTTTGGTGTTGCTTTAGATGCGGAGAGTATGGCGGTGATGTTGTGATTGTGAATCTACGGGGTTTT
TTTTTTTTTTCTTTTAAATTGGATCGGGTTGTGGTTTCCTTTGATTTCTTGATCTGCGATCTGTGTGGTTTTGA
TTCGTTGAAGAATGTTTAAATCTACTTGTTCTTCGTTGTTTCTTTGCGATCTGATTTCTGGAGCCGGGTTTGGAA
TCTTTCGCGACAGGGGAATTTCTTCATTTTTTGTATGTTGAAAATTTGATTGATTTATCTAGATTGGAGTTT
CAATTCGCGTTCTCTTTGTTGATCGGGATTTCTGATCTGTGATCCGGAATCTTGTTATTGTTTCGTTTTGT
CTAGGGTTTCATCATGTAAATTTGGTGATTTTCGATATGGTCTAATCCTAATTTGGATCAGAAGAAGAATGCACT
TAGGTTTTGAATTGATTGATCTGGATGACTGGAATCGGATTTGTTCTTAATACTTATTCGTGTAGTTTTGCCTT
GCAGGAA

>trans_s_3970 AF032386|Nicotiana tabacum aldose-1-epimerase-like protein (GP40) mRNA,
complete cds

AGGGCAAGATTTCTTCATTCTTTGGCAAATATGGCTAAATTTTCTTGCTTTATTCTGTGTTGTTGCTTTAGCTG
TTTTTGGGTTTGCTAATGGGTATGAGAAGAAGGGGGAGATTGGGATTTTGTAGCTTAAGAGAGGTGACTTTT
CGGTGAAATTTACCAACTGGGGTGCCACTATTGTGTCTCTTCTGTCCCAGACAAGCATGGGAAGTTGGATGA
TGTTGTTCTTGGGTATGATTCCATTCAGGAATATCAGAATGATACAGCGTACTTTGGTTCGATTGTTGGAAGAG
TTGCTAACCGAATAGGCGGTGCGAAATTCCTCTTGATGGAGTTCTATACAAGCTGATTGCTAATGAAGGCAA
CAACACACTTCACGGTGGCACTAGAGGCTTTAGTGATGTTGTCTGGAAAGTGACCAAGTATCAGAAAGATGG
TAGCTCTCCTCAAATCGTCTTTTCTACCGCAGTTTCGATGGCGAAGAAGGTTTTCTGGTGATCTCTTGGTGA
CTGCCACCTACACACTCATTGCAAACAACCAATTGAAGTTGACAATGCATGCCAAAGCTCTAAACAAGCCTACT
CCTGTTAATCTAGCTCAACACACCTATTGGAATCTTGGTGGACATAACAGTGGCGATATTCTGTGCAATCATCT
TCAGATCTTCGGATCCCGCATCACTGTCGTTGATCATAATCTCATTCTACTGGAAAGTTAGAACCTGTCAAAG
GAACTCCATTTGATTTCT

>trans_s_3971 NM_115117|Arabidopsis thaliana ATP binding (AT3G52570) mRNA, complete cds

GGCAGTTCAAAATGGCCGGAATTTGAGAAACAAATCCGGCATCCGCCTCCTTTCTCGAATCATTAACGCGCG
GATTTATCTTTAATGGCCACTCATGGAGATCTCTACAACTCTCGCCTACGAAGAGGTTTCAACTTCACCGGA
CGGACCTTACGATTCAACCGCTTCGTTCTTCACGGTCTCTTGGGTTTCAGGAAGAAATTGGAGGTCCTTCTCTC
GGAATCTTCTATCAAGGCTTTCTAATTCCTCGTCTTCGGAATGGAGAGTGGTGCTTGTGGATTAAAGGAACCAT
GGGAAATCAGCTGAATTGGAAGGTTTTGATCCTCCTCATGATATGGTGAATGCTGCTAAGGATTTAGCGAAAT
TAATCGAGTCTCAAGATTGGGCATGGCCGGATGTTGTTATGGGTCAATCCATGGGTGGGAAGGTCGCGCTTC
AATTTTTGGAGAGCTGTAATCGTGGTGATTATGGAAATTTAGCTTCATTGCCAAGCAGAGCAGCTATGGGTG
CTTGATTAGTCCCTGGAAATGTGAACCCGAAAATAGCGATGGAGAAGTAGAGAAAGTTTTGAAAACACTG
CAGGGTTTACCTTCATTAGTACCGTCGAGGAAGTGGGTTGTTACTCATATGATTGAACTTGGTTTCTCGAAGTC
ATTATCTGACTGGATAGGCAGTAATCTGAAGAAATCTGGGGAGCACGAAACATGGAGTTTCAATCTTGAAGG
TGCTGTACAGATGTTCAATTCTT

>trans_s_3972 NM_118818|Arabidopsis thaliana SUMO1 (SMALL UBIQUITIN-LIKE MODIFIER 1);
protein binding / protein tag (SUMO1) mRNA, complete cds

GAACGATGAAGAAGACGACCGGTAAGAAGAGGCGTCTTCAAAAACCAGAACCACCGGCCGATTCTCACTCCG
ATAGACCTCGAGCTAAATCAATCAGAACTGTTAATGGCTTCAATTGCTCGACTACTGAGCCGTATCCAGCTCAT
TCTTCGCCCACCTTCGGACGAATGTCTGTCCGTGAGGGACGATCTGTTGAATCTTCATGGTTTCCGCGAGAGTT
TCTTAAGTATCGGAAGGAGAGAGAGAGGCTGAGTGAGTGCTGCTCTTTCGTGGACGGCGTCCGCGCTGAGCA
CGGGGATAATGTGGAGTCGGAGCTCGTCGTTGAGAAGGAGAGCGTTTTGGATGGATTGGTGAAGACTGTTCT
ATCGCAGAACACTACGGAGGCTAATTCCGAGAGGGCTTTTTGTTTCTCTCAAGTCCGCCTTTTCTACTTGGGAGG
ATGTTCTTTCAGCTGAATCCAAATGCATAGAGGATGCCATAAGATGTGGAGGATTAGCACCTACAAAAGCCTC
GTGCATAAAAAATATATTGAGTTCTCTGTCAAAGAGAAGAGGCAAATTATGCTTGGAGTTCTTGCGCGATTTA
TCCGTCGATGAAATAAAGGCAGAGCTGTCGACTTTCAAAGGAATTGGCCCCAAAACGGTGGCCTGTGTGCTG
ATGTTCAATCTTCAGAAAGATGATTTTCCAGTAGACACTCATGTATTCAGATTGCAAAGTTCGTTGGTTGGGT
CCCGGATGACGCAGACAGGAACAAA

>trans_s_3973 AJ879068|Capsicum chinense mRNA for 60S ribosomal protein L37a

TCCCGCTTAGCCGTTCCGGTCTCTGCATCAGCGTCTGTCCAGAGGTGCCCTTGTTCCGTCAAAGCCTCAACAATG
ACGAAAAGAACCAAGAAGGCTGGCATTGTCTGGCAAATACGGTACCAGATATGGTGCTAGTCTGAGGAAGCA
GATTAAGAAGATGGAAGTCAGTCAGCACAGCAAATACTTCTGTGAGTTCTGCGGAAAGTATGCAGTGAAAAG
GAAGGCTGTTGGGATATGGGGTTGCAAGGACTGCGGAAAGGTGAAAGCCGGAGGTGCCTACACATTGAACA
CTGCTAGTGCGGTAACGTGTTAGAAGCACAATCCGAAGGTTGAGGGAGCAGACTGAGAGTTAAGTTAGATTTA
TATTTTGTTCCTTCCGTCTTGTGTTATACTACCGGTTTGATAGTTTAGAGATATTGGAAGAAGATTGTTCTAA
GCAATTTGTGTACCCATTTGACTTTATTCCTAAGTTCTCACTCTGGAGCTTCTAACCTAGCTCTTCTTTGTGTTTT
TATCCATTTGAAATATCCTGGATTTTTGGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACGAAATTTGGCTTGCTTTTTTTTTTTTTTATATGATTTTCATCTCTTGGGAGAC
TTTTCTAGTAACAAAGGAGTACTATAATACATTATGTTTACGATAAAAATCCGCTATTCGTAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3974 NM_001056186|Oryza sativa Japonica Group Os03g0265700 (Os03g0265700)
mRNA, partial cds

AAGATCCCCCTCCTTACTCACCCCTCATAGGCAACGGTACGAATCATTTGAAAACCCTTTAGCAGGGCGTGGT
TCTCAGAGTTTTGGATCTCAAGAAGAGCGTGCCTCTTCTGGAAATCCACAACGTGGATCCGCTCTCTATGACTT
CACTGCTGGTGGCGATGATGAGTTAAGTTTAACAGCTGGTGAAGAAGTCGATATTGAGTACGAAGTAGATGG
CTGGTTTTATGTGAAAAAGAAACGCCCCGGGAGGGATGAAAAAATGGCAGGGCTCGTTCCTGTCCTTTATGTT
AATCAATCTTGATTTCTGTGGCATGTTAATCATGAGGCTTCCTCGATGAATCCCGACATCACGACATGCCTTGC
AAGTTCCTTCTCCCTCCCCATTATTTCTTTGCCGGATCCCACATTTTCTTCAGCGGGCCTCCACAATATCTCTACT
GGTTTTATAGGTGGATACTACAACGGTTTGTTCAATTAACCTTCGTTGCATCCATATGATGTGTGCTTTGTTATTC
ATTATTTTTTGGGGGTATGATAGTCGTGGCAACGAAGCTCATATGTCATTTGATTTTAACACGATCTTAAATG
GGAGGTCATGCTTGGCCAACTATGATCATGTTCTTGAAACAGTAGGAAGATAGATGGGATGCATTATTGTTAG
TGTATGTATTTTATTACAGTCATTTTCATCACATTTGTTCTAATGAGAAGTCGAGAGATTCGAGCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3975 XM_002870221|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L27, mRNA

TTGGAGGCTTGGAGGCAGAGAGCAAGGAGACGGAAAACACAGAGCAGAGGTGAAAGTTCCAAAATGGTGA
AGTTCCTCAAGCCTAACAAAGCCGTCATCGTCCTTCAAGGCCGTTACGCCGGCCGGAAGGCGGTTCATTCG
CGCTTCGATGACGGGACTCGGGATCGCGCTTATGGCCACTGCTTGGTCGCTGGAATCAAGAAGTACCCGGCC
AAGGTCATCCGCAAGGACTCTGCGAAGAAGACCGCTAAAAAATCCCGTGTCAAGGCCTTCATTAAGCTCGTCA
ATTATAGGCATCTGATGCCCCACTAGGTACACTCTCGATGTGATCTTAAAGACGTTGTCACTATCGATTCGTTG
CAGTCAAAAGACAAAAAGGTCTCCGCCGCCAAAGAGACCAAGAAGAGGTTGAGGAAAGGTTCAAAACCGG
GAAGAACAGGTGGTTTTTCTACTAAGCTCAGATTCTAAAGTAGCTCATTACAGTTACTGGTTTTCTTCTGGATTACT
CTCGTATTAGGTTATTGAGCAATTTAATTTTTTTTGTTCGAGTTATCGTACGTTCTATCTTGCTAATGTAGTTT
GTTTTGGTGTATAATTTTTGTCTGGACGTGCTTTGAATGCTTGGATGAGAAATTTCTATGGTTATAAGGATACA
TTTGAGACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAATATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3976 NM_001061071|Oryza sativa Japonica Group Os05g0128100 (Os05g0128100)
mRNA, complete cds

ACATTCCTTCCTCACCTTTCCTTCTTCATCTTCGTCATCTTCGTCAAGGTTGAGAAATTCCTTAAAAATGGCGTAAC
AAGCACTTCTCCATCTCTCCGCCCTAAAAATCTACTTCCACTATGAATTCTATTTCTCCTCCATTGAATTCCG
TCTTCTACCATCACCAATCCACCACAACCACAACATAATCTCCACATCTTCACCAAATTCATCTTCTCCTCAA
ACGACCTACCGTTTCAATTCAATAAAGACCAATTCAATTCTTCCAATAATTCTTTAATTCTTGAAACAGCACT
ATTCTCCGGCACAATCCGGCGACATTTCTGTCTACTCCAGACAAGCGGCGTACTTCTGATTGCGTATTTGAT
AGCGAATTTCAATTTCCCGGAGTTTATTATGAAGTCATACCGATCTGATGATGAGAGCGAGGGGAAGGGTGG
GGGTGGAAGATGAAGAAATCAAGCGGAGGGAGGAAGAAGCTTCATTTTATTTGTGTGTAAGAAAATTGG
GATAATATTATTGGGTTCACTGATTTTATTTTCCATTTTGATTGAAAAGGGTAGTTCTTGATGTTTATTTTGA
AAAATTTAGACATATTTGTGGAAAGTAGAAGATGAAGATGAAAGGTGGGGAGAGGAAGAGAGAAAGGAT
AAGAAATGAGTTCCCATGAGAAAAAAATTGTAACTAACTCTTCTTAAGATGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3977 EU395433|Prunus armeniaca cultivar Modesto alcohol dehydrogenase (ADH) mRNA,
complete cds

ATTTCTCTGTCTTTGTTTTCTTCATAATCATACGGCGATTCTTCCTTTTCCCAGGAATTGTAGACCCATTTGC
TTTCCAAGATGGAGGGAGCAACCAAGAACGTCTTACTTTCTCCGGTGGGGATGAGATCTCCAAGAATCTGGC
TCTTCATCTTGCCAGAAGGGGTTGCAGATTAGTTTTGATTGGAAATGAGTGTGTTCTTCAGAGCATGAGTAAG
ATGATAGCGGAATCGTTAAAGGGTGTACTGCCAATTGAGGTTGTTGGGTTGGACATGGAAGAAGAGAGAGA
GGCGGCTTTTGATGAGGCTGTGAACAGGGCATGCAGTGTTTTGGAACTTTGGATGCTTTCGTCCATGCTTAT
TCTTATGAAGGTCCCATACAAGATGCTTTACAACATCTGAAGAGGAATCAAAAAGATTGTTAAGATAAATTT
GATGGCCTCATGGTTTCTGATGAAGGCTGTCTGTGAAGAATGCGAGACCAGAAATCAGGAGGTTTCAAGTAAT
TTTCTTAACCACCTTAATTGGTGCTGAGAGGGGATTGTATCCAGGAGGAGCTGCATATGGATCGTGCTCAGCA
GGCTTACAGCAGTTAGCTCGAGTATGTTGTTGTCAACTTGTCATTGATTGCTGCCTCTGGTTATTCTTCTTTGTT
TCATTGCAGCTATTATTTTTTGCTTGCTAGGATCCTTTTTCACGAGTGTATTTCTGCATCATTAGTTGTTAGAATA
AGTTATTCAAACCTCAAACCT

>trans_s_3978 EU267122|Jatropha curcas acyl-ACP thioesterase (FATA) mRNA, complete cds

ACGAACATCATCACTAACTTTCTGAAGCCGTCTAGTGTCTTGTTTCATCATCACCCATTTACTTGTTGCTCTTCCT
ATAACTTGACCAGTGGCATAATCTTTAAGTATCCAATCACGTCTAGTTCCAATTCTCCCTTCCCCTTGACACCAT
GTCTCAATTTCAACCACATCACTCCACGCTGGATATTTGTAAATTTCAATGTGCATGCGTGCTGTTACCCATATG

AGATGTAACCTTCCTCATGGTGGGGGTTGTGGCAAAACCATCCGTGGAAAATCCAACACTCTGAGAATGGTTGC
AACCAACCTCCTGCAAGAGATTAGCAATAGTTTCAACAGTAGCGGTCTTATTGATTCCAACCTCATAACATCGG
ACAATGAATTTCTCCTTATAAGAGAGTCCATCTTCAACCAAGGCTCCAAGGCGAAGGCGATCCGCCAAGGTTC
CAGAACCAGTGTGAAGAGAAGCTTCACCTCTATCGGAGACAATAGCAGAGAGAACGGGAGGTCTACTAGGG
AAACGGCGAGGAAAGGAGGAGGAGGTGGAGGAGGAGGAGGAGAAGAGAGGAGGAGAAGGAGGAAGGA
ATCTACATTGTGAGAGGAGGTGGATTTGGTCAGTCACATTGCAAGGGATCTTCAACATATCTGAGAGAGAGA
GAGAGGATAAAGAAAGGAGTGGAAACGGAGGTTGAAGAGATTTTCTCTCTAAGATTGCTGGAGGAAAGT
TCGTGTGTTTAACTTTCACCTCTCTGTTT

>trans_s_3979 X69887|B.napus A6 mRNA for beta-1,3-glucanase homologue

TCTTAATTTGCTTGATCTTCTCAACACCATCAGTTTTTCTTTAACCCAATTGGGGAATTCTCGGGTTTCGCTTTCT
TATGCTCTGAGCCTAATTCAGAGCTCCCCTGCAATGGCGGTTTCCCGTCTGAAACCGATTGCTCTAAAGAGGTA
TTCCGAAGGATTGGAGATTAGAGGAAATGTGAAAGATCTGAAGAAGGGTTGCTCCGGCGAGGAGAGAGCGA
TCGAGAAAGCTTTGGCAACAATGGAGGGAATTGGGTATTGGATATGTGGTATTGTGCTTTCTGGTTGTGAAG
GAGATGCAACGGCATATTTGGAGATGAGGAGATTAGCCTCCGGTGTGACGGTTCGGGCGTTTAAGGCGTTGG
ATTCGGTGATCTCGGCGGTGGTTGCCGGGAAGGGGAGTGTGCCGGAGGAGGTTGAGGAGGTGAACGTTGC
GGTAGAGATGATCATCGGCGGTAGCGGCGAGGCGGTGGAGGAGATGAGGAAGAGAATGGGGAGATTGGA
GAAGACGGTGGAGGGAATGGGGAAGGAAGTGGATGGAAGATTCTCGGAGGTTCTGGACGGAAGAACTCGA
ATGCTTGATGTTTTAGACACTCTTAAATAGAACTCTTTAAGAACTTTTCTCCTATGAAAGGGTTTATTGTG
CTTCTGTCAATGTGGATTTAAATAATGGGATTTTCTTGTTATGTAATTTGGTTGAAATTGTCAATAACGTATCT
AGAGATACCATAGATGTGTGTATTTGTATAG

>trans_s_3980 FJ402841|Solanum nigrum extensin-like mRNA, partial sequence

CTCCTCCCCCTCCTCACCTTCTCCTCCTCCCCATACTACTACAAATCTCCCCACCACCAGAGAAAGTAACTCC
TCCAGTTTACATTTACGCATCTCCACCACCTCCTCCCCACTATTAAGCGCTAAAAATCCTCAACACCAATCTTGTT
TTATTTTCAAACTGGAATAAAGGAAGGCTTCTTTATTAGCGAAACGATTAGAGGTGGTGAATTCAGCCCATT
GAATAATAAGGGTCTTTTGCAGAAACAAAGCATTTTTCAACATTCATAGTTGGGATCAGATTGCATCTTCTT
CTCTTGTTGCCATCTTCACTTCTTATTATTTATTAGTTCTTCTGGGAAATTGGCTTCAAGGGTTCAATTGGCAT
CCATGGCAGGGCTTGAAAGTTGCAGAAGATGATGAATTATTTATTTAGTGATTGATTGTGAAGCCTTTTTT
TGTTATTTGTTTTAATTTATATCTATTTGTGAATACATCAAGTACGCATTTGTGTAAGATTTGTGATTTTGTTCAC
TTTGGGTTATTTATTTCAATTTGTGGTGCGTACCTTTGAGTTAAATTGTAGAATCCCCATTTTCAATAAGATCATA
GCAAATCACCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCGAAAAACTTATCAAA
CCCCCAACCCCC

>trans_s_3981 XM_002885210|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing protein, mRNA

AAAACTCAACGACCTTCGACCAAATCCCTCTAACCACCCATAAACCCATTTCTCTCTTCTCCTCCGTCGCCATA
CCCATGAGCTCCACATTTGCTTCCATGTCTTCACCTTCTTCTCATCTCTTTCATCCATCTTCAATTTCAATCCATC
TAATTCTAAAATGGTCTCATTCTCGAACAATCTTCGTTTTGCTGCTCCCCTTCTCGCCATTCCATTTCTGTGCAT
CCGTTTAGGGTTAGGGCTTCCTCTGTTCCCGTTCAGGACCCACCACCTGTTGTTCAATGTCTACGCAACTAC
GCCAAAGCTGCGATTCTCATCGGTGCTGCAGCGACCATGGTTGGGAAATTCTCGAATTTGCCTGCCAGAGCTG
AGACGCCTGCGGTGGTGGCTGAGGAAGCTTCAAGAATGGAGGAAACCTCCCCAGATAAGCGGATTGTTGAG
GATTCAGACCAGGACGGGAGGCAATCCTCGCCGTTAAATGACTTTCTCGAATCGAACTCTGAGGCTGTCGAG

GCCCTCAAATCTCTCTACAGCAAAAGCTTGAAAATGGTGAGGATGAAGAAGCGCTGAAAATTTTGAAGCAAT
TGGTATCTGCTCTCCCGTCGGTGACCGAGTGGAATTTCTGATGGCTAGGCTGCTTGCGGAAATGGGCAAAAC
GGAAAATGCAAGAGAAGTTTTTTGAAGAGATTTTGGCTGTCGACCCATTGTCTTACGAAGCATTGTTTGAAAA
CGCATTGTTAATGGA

>trans_s_3982 NM_125154|Arabidopsis thaliana heat shock protein-related (AT5G57710) mRNA,
complete cds

AAATCTGCTCGAGGAAGAGAAGTTTGCTAGTTTAGCAAGAAGAACTTGGCAATTGAAATTATCCGTTAGCGA
GCAGACACTTAAACGTCGAGCTGAATGGGCACACGGTGAAGAACGGTGTTTGAAACCCAGATTAGAACTGG
TTCAACCATAGCATTTGATCTGAACGAATCTGCCGATGCAGAGGACGAGAAGACAGATGGATCATTGAATCC
AGTGACGTAACACTGATCACGAAACCGATCATGGGCTCAACACTCGACAGTTATCATTACGACTGCATCAG
CATCACGAGAGATGCTCAATAAAGTCGACGACGCAATTGTCTTCAAACCACTGGACTTCTCTCCAATCAAGCA
CAGCATCACAAGCTCCATCAAAAAGAAGTTTTTCATCCATTGTTGGAGAAAAGATCTCACTTGAATTACAGGAG
AATGCTGTTGAGAAGATCACAAGTGGAGTATGGCTTGGGAACACAAATGTCGAAGAATGGACCGAGAATTTT
CTCGTTCCGAGCTTGAAAGAGCTCAAAGCTCGTCTTCCAACCTTCCGAGTCCATGGTGGTTAAGCT
CGAATCTGATGCTGACTTGGGTTGTGCGAGCTCAGAAGGTCAGCTGCCTTGTAGCATCAAGGTGATTGTAGG
GGAAAAAGTTTGAGATTTGGCTGAGAGGTTCATAGCAGTTGGAATTTTGTAACTTTGTTGGATAGAGATGTAA
ATATGCTTGAATGGAAGGGTAAAATCG

>trans_s_3983 NM_123654|Arabidopsis thaliana SCP2 (STEROL CARRIER PROTEIN 2);
oxidoreductase/ sterol carrier (SCP2) mRNA, complete cds

CTCTTTCACAATGTTAAAAGCCCATCGTCTCTCCATAATTATAAACGCCAGAGGAGCTTCGTCCACGCTCCATT
TTCCTCCACCTCTCTTCTTCAATTTCTGTTCTCCACGTCGTTGCCAATGGCGAATTCCTCTAATTCTCCCTCAA
ATCCGATGCTCTATTGGAGCAGATGAAGCAGCATCTCTCCACTGATGCCGAAAAGAGATCGCCAAGAAAGT
CGGCTATGTTTATCAGCTTAATATTTCTCCCAAGAAAATCGGAACTGATGAGGTGGTTTATACCATTGATCTCA
AGAAAGGGGAGGTTATCAAAGGTCCATACGAAGGAGGAAAGCCAGACGCCACCTTATCCTTCAAGGACGAA
GATTTGTTAAAATTGCTTTGGGAAGATGAATCCTCAGATTGCTTTCTTGAGGGGTGCTCTTCAATCAAGG
GGAGTATCGGTGCGGCACAGAAATCACTCCCGCCATTTCCCAAGCCTGCAAAATTATGAGCGGTGCGAAG
AGGGAAACTGCTGTTCTGAAGCTATTACACATTGTCAATGTTGAGAGATATATGGGTATTTACACAATAAAA
GTTAAAAGAAGCTGCTTTCAATTGTCTCTAAATCAATAATTCTAATGTCAAATGTATTAGTCCAATTCTGTAGG
ATATCATAACATGTTGGGAATATATCTCCTTATTTAATGTTCAAATCATCTTCTTTGTACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3984 NM_001058807|Oryza sativa Japonica Group Os04g0223500 (Os04g0223500)
mRNA, complete cds

ATATTTATTAAAGCGGTGGTGTGTGCCACAAACACACAATCAGCAACCGGAGCCCTCCAAGGCTGAATCAGTG
TATTTATTAAAGAAATAAACTACAAGTTTAGGATTTTGGTTTTTCCCGCCTTACTTGTGTTTTCAAGGGAAATTG
GAGACGATGGAACCCAAAAAAGTGGGCATAATCGGAGCTGGAATAAGCGGTCTAGCGGCCTGCAATTTGTT
CTATCCAAAGGATTGATTCCGTTGTGTTGGAGGCCAGAGGTGAGATTGGCGGCGTGTGGACAAAGACGCTG
CAGACGACGGTGCTGCAACCCCCAAAAGAGATGTTTCAATTCTCCGATTTCCCTCGGCCGAAATCGGTAACCG
AAGAATTTCCGAGGTATGATCAAGTGCTAGATTACCTTAGTTCTTATGCCAACATTTCCGATTGTTGAAGCAC
ATCAGATTCAACACTAGAGTTGTTAGTATCCAATACGAAGGTTGCTCTGATGAGGAGATTGGAGGTTGGAATC
TTTGGGGTGGCTCCGAGACGCGTTCGGCGAAGGGCGGAAATGGAGGCTCAACGTCGTTGATGCTCGGACT
GATGTTCCGGTCGAGGAGTTTGGAGAGTTCGTGGTGGACTTCGTAGTACTTTGTATTGGCAAATTCAGTGATG

TTCCAAATATCCCTGAATTCCTCCAAATGGAGGTCCCGAAGCTTCAAAGCCGGAAAAGTTCTTCACTCTCTA
GAGTTTTCTGCCATGGATTTTCGAC

>trans_s_3985 X68305|A.thaliana mRNA for nitrilase II

GAAATCTAGGGTTAGGGTAATTAGGGTTGCAATTTTGCCTTCTATCTCTACGGAGAAAATCGACGCGATGAAG
AGCGAAATTGAAGATGAAAAGTCATCGATTACGGGGTGGTTATTTGTTATAATTGCTCTGTAAGATGAATATC
AATCTGGTTCGTATTCACTGAGCGTCCCGTTTTTCTTAATTTTGAATCGAAGGGTCTATGGATGGGGCGCCA
TTCTAATCAATGCGCTTTTGTCTCAAGTTTGCCTTCGGAAATCGTAGTGAAAAGCAGATTGCCGAGCCAAGATC
CGAATAACTGGTTCGGCTTTCGAATTTTGTATTTTATACAGGATTTTGTCTGCATTTTTTGTGTTTGATT
GTGCGAAGGTCCCAGCAGAGGGGAGGAGAACTCTGAGATTGAGACCCCTCTAACTTTGAATTAATCCTTCG
CAGATTTAGCTGCCGAATCGTAGGACGCCCAAATTGTTTTAGGGGGTTCGATCGTCTGAACCCTCGGCAAA
ATTCGTTTTTTTCCATAATTTCTGAAGTTTATTAGGTTTTATTCGTGGTGAGCGTTGATTACTGGGGGGAGAT
ATGTTTTCTTATGAGCAGTCTGTTCTGATGACCCAAAATCTTTTTGCTTTTCTCTGTTGGGTGCTTTTCGGTT
AGAACTTTGAGGAAGAAAATTCGATCTGTATGTGAAGCTGATGGGTGTGTTTTTCAGTTTGAAGACAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3986 XM_002887542|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2184, mRNA

ACTCACCACAAGCAAACGCAGCAATGGCGCTCAACCTAACAAATTCCTTCCTTCAACTTCAACGGCCAATTTCC
TCGGCCGTTGCACCGCCCAAGCACAAGGAATCTGGAGCTAGAAGTCACCGGCCGGTGGTGACCTGCCGGAAA
AAGGATCTGCACCCCCAATTTACGAGGATGCTAAGGTTTATTGCAACGGAGAATTAGTTATGACGACCGGCG
GGACCCAGAAAGAGTATTCAGTGACGTGTGGTTCGGGAAACCATCCGTTCTATTTGGGAAGCCGATCCGCCC
TGCTCGTCGACGCCGATCAGGTGAGAAATTCGCAAGAAATTCGGAGAGCTGTGCGAGTTGATGGAGATTC
CTGTTCTTAAGGGCGAAATCATTCTGCCCTCAAAGCGTAAATCCGCAAAAGGGAAGAAGAAGTAGAAGATTC
TGAAGATTTAGTTGGGTGGTAATCAGTTAAATCCAAATGCATATTGAGATTTTGGTTCTTCAATTGCTTT
ATATATATCCTCCGTGTAATTTAGCAAAATCGACACTAATTTGTCTGAACCAAACGATTTGTTTCTTTCCTCGC
ACTGCCTTTGCTAATTCTAAATGCTCAAATGTTGATGAAGTTCTGAATGCACCAATGGATTAGTGTGTTGGTGG
GTGAGGAAATTCATGAAGGAAAGAAAGTTTCGAGAAATTAGATCAGGAATTGATTGGTAACTGACTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3987 NM_120865|Arabidopsis thaliana AtGUS2 (Arabidopsis thaliana glucuronidase 2);
beta-glucuronidase (AtGUS2) mRNA, complete cds

TGGTTTAGCTAAAAATCTTGACTTCAGGTTGTGGCAATTGCTTCAGAGGCCATCTCCACTTCATTTTCGTGTTT
CATTGACGAAATTTCTCGAATTTGAGTCGGTATGTTTTGTTGAGCTGGTGAGAGACCGTATCGATTGCCAAG
CGATGGATGTCAGATTCTTCTGCTTCTTAGTAGTTTCTCTACCTGCTATCTGGGCTCAAGACATAGAACATG
CCAGAATTATAATCAATGCTAATGAGAAAGTTGCAGAAACAGACTATAATTCATCTGTGCTACCTTGATTGG
TGGCCTCATGATAAGTGTGATTACAACCAATGTCCATGGGGGTACTCATCCGTCATTAATTTGAACCTATCTCA
TCCTCTTCTTTCCAAGGCAATTCAAGCTTTCCATAATTTAAGGATCAGAATTGGTGGCTCTTTACAAGACCAAGT
ATTGTATGATGTCGGAAACTTGAAAACCCCTGCCGTCCATTTCAGAAGATAAGCTCGGGATTATTTGGTTTCT
CAAAGGGATGTTTACACATGAATCGGTGGGATGAGCTAAACATTTATTCTCCAGGACAGGAGCCATTGTGAC
ATTTGGCTTGAATGCCCTTTATGGGAGGCACAAGATTGGTAGAACTCAGTGGGGAGGAGATTGGGACTCCAG
TAATGCTCGTGATTTTATGAAGTACACCATTACTAAGGGATATGTGATCGAGTCGTGGGAATTTGGTAATGAT
TGAGTGGAAGTGGTGT

>trans_s_3988 BT004659|Arabidopsis thaliana At5g53650 gene, complete cds

>trans_s_3989 EU189945|Medicago truncatula SINA1 mRNA, complete cds

>trans_s_3990 NM_116892|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT4G08230) mRNA,
complete cds

>trans_s_3991 XM_002872999|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata non-intrinsic abc protein 9 (ATNAP9), mRNA

AAAAGAAGCAATGGCGGTTGAAGAATCGAGTGCCTGAAACAATGCCACGCCTCAGCTCGTCTTCTTTCTCACT
CACCACCAACCCAATTACTCATTTCTATCTCTTTCATCTTCAATTCCCTTTATCAATCCCATTCTCATCTCCCAT
TTCTCATCTCCCATTTCCATTCTCCACTCTGCAAAATGCCTTCTCCGATCCCACCATCGTCATCGACCGCCTCC

GATTCACCTTACCCTGGAATCGACGGCCACCCTCCTCCCTGTTCCAAACCCCTTATTGAAAATTTCTCCCTCACCC
TCAACTCTGGTGATCGTTGCCTTCTTGTGCGATCCAATGGCGCTGGGAAGACCACGATCTTGAAGATTTTGGG
AGGGAAGCATATGGTGGAGCCTCATATGGTTCGTGTGCTTGGGAAGGTCGGCTTTTCATGATACTGCTTTGACT
GTTTCTGGTGATCTTTGTTATCTTGGAGGAGAGTGGAGGAGAGACATGGCCTTTGCTGGATTTGACGTTCCCA
TTCAAATGGCTGTATCTGCAGAGAACTAATTTTTGGAGTAGGTGGGGTTGATCCAAAAGGAGAGTCAAC
TCATTAATATTTTAGACATTGATCTATCATGGAAGATGCACAAGGTATCTGATGGTCAGAGAAGACGGGTGCA
AATATGCATGGGTCTTCTCAAGGCATACAAGGTTCTTCTTCTTGATGAGATAACTGTGGATCTTGATGTGCTGG
GCAGGGCTAATCTTT

>trans_s_3992 NM_129251|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing
protein (AT2G36950) mRNA, complete cds

ATTCGAAGAAGAAAAACAATTCAAAAAAATGGGAGAGGCAAAAGTTGAAGAACCAGCCGCTAAAAATGA
ATCCGAGAAGAAGCCGGCGGCACCTGTACCGGCTCCGGCTCCGGCGGCTGTACCGGTAGCCACGGATGGCG
GAGCTAAGAAAGAAGACGGCGGAGCAATCACCGCCATATATAAATCGACATGCATTGCGAAGGGTGTGCG
AAAAAGATTAAACGAGCTGTCCGACATGTAAAAGATGTTGAGAGCGTGAAGGCGGATTGTGGAGCGAATAA
GTTAACTGTGATTGGTAAAATGGATGTTGTTGCCGTAAAACAGAAATTGGAGCTTAATACCAAGAAGAAAGT
GGAACTTATTTCCCTCAACCCAAAAAAGATGCCCCGCCGCCGCGGCCGCTCTGCCGCTGCCGAGAAG
AAGGCCGATGAGAAAAAGCCTGAAGAGAAGAAAGCTCCTGAAGAAAAACCCAAAGAGAGCACTGTCGTTTT
GAAGATCCGGCTACATTGTGAAGGTTGCATCAAAAAATCCGCAGAATCATTTTGAAAATCAACGGAGTTCAT
TCGGTGGATTGACGGAGTCAAAGATTTGTTACCGTTAAAGGAACAATGGATGTGAAGCAACTCGAGCCG
TATCTCAAAGACAACTCAAAGAAACGTCGAAATTGTCCACCCAAAAAGGAAGAACCTGCGGGAGAAAAAG
AAAAAGGAAGAATCCCCTGCTCCCGCCGCACCGGCT

>trans_s_3993 NM_117484|Arabidopsis thaliana transferase, transferring glycosyl groups
(AT4G14100) mRNA, complete cds

ACTCCATTTACCTCACAAATTTCTCCGAAATCTCCAGATAACCGACCTTTGGTACGACTGGCCTAATGGTCGG
AACTTCAACATCCTTCAACACCAGCTCGGCAGCCTTCTCTACGGCCTCGAATGTAACAACGGGACTGAATCTT
ATACACTTTAGATTCTTCCAAGACTTGCAATACCATGCAGTTTGAGGTGGGTCTTCTCCACCAAATTGGCTCG
ACGGAGCCCATTATCTGGGTCAACGCCATGTCGATGGTTTCTCTGCAATGTCTGGGAGAAGGTCGATTTTCAT
CTGGTATTACGAAGATGTTGAGACTAAATACCCGTTTATTGGGTCTTCTACGATGGAAGAGACGCTCATGTG
ATGACATTTGAAGTGGGAGCTGTGCTGGAGGATGAGAAATGGCAAGCCCCTGTTTACTGCTTTGATGGCACG
GGAAATACTGCCAATGATGTGGCTCTCCACCAGAAATTTGCCTTTAATGGCTGATGTTAAAAAGAGGCTTCTCCA
CCAGAAATTTCCCTGCCATTTGACACCTTTTTGGTAGTCCCATTGCCGCTGAACCTTAATGTTCAATTTGAA
TAAGTTGAACCCCTGAAGTTTGCAATTTATATGTTTCATGTTTGTCTGTCGAGTGAAAATGGAATTTCCATGTAT
CCTTCTAATCGTATTATATATATTATACTGCAAAAATAATATGAACAGCTACTCCTAGTAGTAGTGTGTGTATA
AACTATTTAACTAT

>trans_s_3994 Novel Gene

CGCGGGACGTTCTGTCAATCGGGGGAAGGTTTTTGGTGACAAGACCTGGAGATATCAGAAGTGAGAATGCTG
ACATGAGTAACGAGAAATCCTGTGAAAAACACGATCGCCTGCCAGTGGAAGGCTTTCTGCGTTCAGTCAATCT
ACGCAGAGTGAATCGGTCCCTAAGGAACCCCGAAAGGGCTGCCGTCCGATGGGTACACGAAAGTGACGAA
GTAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTGTCTGTTGGAGCGAGCGAAGCAGCTAAAAATCTTTACTCCCCCTCTC
CCCTCACTCTCCTTTCCCGCTCCGTGGGATTACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACTCGGCCTGGTCCAAC
ATTCGTATAGTCAATGCGGCAGAAAGGCGAAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGGCGGA

CACCTTTTTTTGTTATCCGGAATCCAGTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGGCTCC
GGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTCGTTTTCGAATGTCTCGTTCAGC
CTCAGAGTCTACAAGCCTTTCTATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGTCCCAGAGAGCGTACCGCCAT
AGTCGTGAGTCTGTGATGTCGATATACTCGCACTGCGACAGGTGGAACCAGGGTCCTTGAGAAAAAACTTCTC
TGTTGGAGCGAGCGAAGCAGAGC

>trans_s_3995 XM_002311624|Populus trichocarpa magnesium transporter, mRNA

AATGACGATCATGGATACATGTTTAAATGGGTTGTCATTGTTGCTGGATTTGCTTCCGCGGTGTTGTTTCATCAC
AATTATTTACTATGCTCGCTACAAAGGTTTGGTGGGATCTTGATCTTCTTTCATTCAAATGATGAAATCCTTTTC
CAATGGAAACCGTTAGTTGAACTGTGACAGACAATGAAGGAAAAAAGAACGGGAAGAAAAATAGAAAGGA
AGTGCATTGCTGATGAGTTTAGGAGTGATATACATACCTGACTATACTTACAATTTAGTTTCTGTGGGATTTT
AGGATTGAAAAGAGGGGAAAGAAGGAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAATTAAAGAAAATAAATTTCT
TTTTAGGACCTGTTTGATTTTATGGCTGATTATTATTAGGTACCATATGAAATCAAAGATCAGCAGGTGCTTCA
AGGTTTCATCTCATATTTGATTAGCTTCTGGCTCTATGCATAATTGTATAAACATCATATAGAAAGGAATTTTCAT
ATTTATTTGGAACAGTAGTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGACACTCTTTTAACCACCGCTCAAAGAAAAAAAAAACCAAAAAACCCCCACAT
GAAACCACTAAGACACCCCCCCC

>trans_s_3996 FJ403374|Arabidopsis thaliana stress-enhanced protein 4 mRNA, complete cds

ATCTTGGAGCTCAGATTTCTCCTTCCATGGCGGCCATTCCATCTTCTCACTACAATTCCCTAACTCTCTCACACT
TCCTTCCAATTCAAAGTCTCACAAGCCCAGGCTTCTCACCTTCTAACCAGAGCAGCAGATCCGGAATCTACCC
CCTCGGATTGAGAACACCTGGATCTGACGGCGACGATTCGAGGACCGACTCGCCAAAGTCGCTTCCGATA
CCGAAGCGGAACAGGAAAGAAGGCAGAGATACGGAAGGCTCGGAAGTCCAAGAAAGGTTCTACCACTGCCG
CCTCGTCGGTGTACCTACCGCCAGTGCCGCTGAAGGAGCCGGTCTCCGGCGGACTTAAAGTGGAATTCGGATT
CAGTCCGTACAGCGAGAGGATCAATGGTTGGATTGCGATACTCGGAATTTGCGCGTTGGTTCTTGTTGGAATTG
GCGACTGGAAAAAGCGTCATCAGTTATCATACGCCGGCGATTATACTGATTCAAGTGTATTTGTGGCGGCGG
TTGCTGCGGTGTATATCAAATACGAGAAGGAGAAGGTTAGCGTTTGCCGCGGGATGAAATCAAAGTTAGA
ATGAATCTTTGTTTAAACAAATTTAGTATTGTTTTGGCTTGATTTTCTGTTTCTGAATTTCTACATTTTA
TTTTGAGTTATGTATGAATGAACACTAGAACTAGAAATGTGCAGTGTTCAAGTGTTTAATTTAATTACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_3997 GU219475|Brassica rapa pseudo-response regulator 7a mRNA, complete cds

AACAACACTGGGAGTAATGATGAAGAAGAAGACAACGAGAGCATTGGTTTCAATATTGCTGATGGGAGCGAT
GATGGTAGTGGCACACAGAGTTCTTGACTAAGCAAGCTATAGAAGTTGAAAGCCCTCGACCAGTATCTGCAT
CAGCATGGGATCATAAACGTGAACGTCCTGATAGTACTTGTGTTCAAGTTGTTCACTCAAATGCTGATGCATTT
GCCAATAATGCGGCAATTATTTTGACAGCAGGGTGCCAGGTGCAGAAAAAGCAACTTGAAACTGCTACCTTG
GCTAAAGTTGAACTAGGCATGCACAGAAATCTAGATTTACAACCTTGAACCTCTACGGAGCATCCAACCAAGC
TAGTTAATAGAAAACAGAACATCAGGCTTGAGATTGGGTCTAGTGGATTCAATGAGCAGTTCAACAAAGGAC
ATCTCGACCTCAACTCTGAGAGCCCATCGAGCAAACCTTAAGTATGAGGAAACAACCTGTTACTGGTCTTGGTAC
CAATCTTACTGATTCGAAGATGGATGTCACTGTGTTGAGGCACCGAGCTGCCATCCCAAGACCACGGACATT
AAGAATAAAGATGTTACAGATTGAGAAGATTTTCCATCTCTTGAGCTTGGGTAAAAAGGCTTAGAGGAGTTC
AAAAGACAGGGAAAGCAGTCCAAGATGAGCGGAATGTTTTGAGACGCTCAGATTCTTCAGCTTTTTCTAGGTA
CAATGCTGGCTCAAATCTAACAAG

>trans_s_3998 NM_001066055|Oryza sativa Japonica Group Os07g0440100 (Os07g0440100)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCAACTGCAAACTGTTTTACTAAATTGATTATTCTCAACTGCAAA
ACTGTTTTATTTGTGTTGCTGTTACTGAATTGAATAATAATCTTTGTATAACTCCTTAATTTGTAGGATGCTGA
CGTGGGAGATGTGCAAGGAGATGATATCAGTGATGGTCAACCTGGTTCTGCTGACGAGCTGCCTAGTGTATG
CCCCCCCCAGTATTTCTATCTCTATAGCTCCACCCCTTGGTATCTCTTTATTTGAACATTGAGACTCTTTTGCTTT
GCAGGATGTGCAAGAGACCGGAAATTCCTCCGAATTCGTCACACAGCAAGAAGTGAGACCAGAAGAAGAATT
TGAGCAGAAACATGCGGACGAGATGCAAGAGAACAGCAGTACGTTCTCGAAGGGGAGGATATATGAACC
AAAGAGGTGGGCGTGGTGTGGTGGTCAAGAGGATACTCAATGGCCGTGGGGGTGAGGGGATGGAAG
AGGAGGAGGTTCTACCAGAATGGACGCAGTCGATATTACGACCAGTCCGGAAACTATTACCAAAGGAACTA
CTACAACAATGGTCGAGGAAGAGGTGGTGGGAGGGGTGGTGGCGGTGGCCACTCATACAATAGTCATGGTT
CCTCCTCCAAGGTGCTCCTAACTCTTCAAGTATTGGGGTGGCTTCGTGACCGTCGTCGGAAGCGGGTGAGTG
ATGCGAATGCTTGGTGCCTTT

>trans_s_3999 NM_179044|Arabidopsis thaliana four F5 protein-related / 4F5 protein-related
(AT4G13615) mRNA, complete cds

CGATTACCTTTGGTTGACTCTCTGTTTTAGAGATTGGAATTCTTCGTTTCTTCGGCTAAGTCTCCACCCCAATCC
TCCAATTCTACATCTTTCTTCACCACCCACTTCATTAATCTCCCTCCAATGACTCGTGGAACCAGAGGGAGAAA
GACCGAGAAAGGGCTCAGGCTCGCAACGGTGGCAAGGGTAAAACCAAAGACGATGGTTTGACTCCCGAGCA
GCGCCGTGAAAGAGATGCTAAGGCGCTGCAAGAAAAAGCCGCGAAGAAGGCGGCTCAGGCGGCATCAGGA
GGTAATTCATCCGAGGTAAAGCTAGCACTAAGAAGTAAAATGGTCCTGGGTTTAGAATCATGGATTATGTTG
ATTTTTCTTAGCTTTGTTCTTGTGGAACGCCGAGATCTCGTGGTTCTTAGACTGTTTGATATTGGAGGAGTAA
CCTTCATATGTTTCAGTAATGTGAATTGATATATGTATTATGCTGTCAACGTTCAATTGTTGATTATTGTTTTCAT
CATCTTAGTACTCTTGATCTTACTTCTGTTGAGGTAAGTATGCTGTCAATTGCGGATTTTGTTAAGAATTAGAA
CCCTAATACCTACCCCCATCTGCTACCATGTTTGGTTCAAAATAAAAGCATATTATTGTACCATGAAATAAAGT
TTGTTTTATGTGTGTGTTGTGTTTTAAATTAAATAAAAGCATAAGATATGTTGTATGAAGTGGAGATGATGCT
AAATTATCATACTT

>trans_s_4000 AB073629|Bruguiera sexangula bsef-1A mRNA for eukaryotic elongation factor 1A,
complete cds

ACGTTGGGTTCAACGTGAAAAATGTTGCTGTGAAGGATCTCAAGCGTGGGTATGTTGCTTCAAATTCOAAGGA
TGATCCTGCCAAGGAAGCTGCAAATTTCACTTCCCAAGTTATCATCATGAACCATCCAGGACAGATTGAAAAT
GGTTATGCCCCTGTTCTGGAAGTCCACACCTCTCACATTGCAGTCAAATTTGCTGAGATCTTAACCAAGATTGA
CAGGCGATCTGGTAAAGAACTCGAGAAAGAGCCCAAGTTTCTGAAAAATGGAGATGCTGGATTTGTTAAGAT
GATCCCCACCAAGCCCATGGTGGTGGAAACATTCTCCGAGTATCCCCACTTGGACGATTTGCCGTGAGGGAC
ATGCGTCAAACCGTGGCTGTTGGTGTCAAGGCCGTTGAGAAGAAGGACGCATCCGGCGCAAGGTCACC
AAGTCTGCAGCAAAGAAATCAGGGAAGTGAATGGTACGAGTAGCCGTTGGCAGTGGTGAAGTTTGTGAGAA
TGATGAGTGGATTCTTATTAAGTTATTGTCTGGTTGGGGTTTGTCTTTGTTTCTGTTGGGTACGCTTTTAA
GTTTCCTCCTTCGTCGTTGAGCAGATTCTCTCAGAGCCAGGTGCTTGATCGGCGGTGGCAAGTCCTTCCTATTT
AAGGTTATATGTTCTATGCGTGTCTTACTTTAACTACCTTTTCTGGTATTGATCTTTGTTTCTGTTTCTTACATA
CTGATCGTTTTTGTGACT

>trans_s_4001 EF469924|Helianthus annuus RFLP probe ZVG65 mRNA sequence

ACAAAACAAAACCCCTACTTTCTTCTTCTCCTCTTCTTCCATTTCTCTCCAGATCTCCCAATGGCGAAATC
CCTCTCCCTTCTCCTCCTACTCCTCTCCATTCTCACCATCTCCGCCTCCGCCTTCAACGGCGGCGCTTCCAACCTC
ATCAAATCCAAGTGCAGCGCCGCTACTTACCCTGACCTTTGCGTCCAATCCCTCTCAAGTTTCGCCTCCACCATC
CAACGAAACCCCTCGCCAATTAGTCCAAACCGCTCTGGCCGTGAGCCTCTCCCGCGCTCAATCCACCCGATCTTT
CGTCTGGAACTTACCAAGTTCAGTGGACTTAAACCGAGAGAGCGCGCGGCCTTGAAGGACTGTATGGAAGA
AGTCGGAGACACCGTAGATCGGCTCAACAAATCGGTGGAGGAACTGAAGCGCGTTAGCGGATCTAAGAAGA
AGGACTTCCTATGGCACATTAGCAACGTTGAGACTTGGGTGAGTGCTGCTATGACCGACGAGAACACCTGCTC
CGATGGATTTGCTGGCTCTGCACTGAATGGAAGAATTAAATCTTCGGTTAGGGGTCCGGCCCAGGATGTTACT
CGAGTAATAAGCAATGCGTTGTCTCTGATTAATAAGTATGCTGAGACTCAAAGCTAAAGCTGTGATTTTCAGGT
TCTTCCAATTTCTACTCTGTTTCTGCGCTTGATGAACAATTTGAAGATGAATTAGATGAACTGTTTTGGGT
TTTGATGTATATTA

>trans_s_4002 AY048246|Arabidopsis thaliana At1g02660/T14P4_9 mRNA, complete cds

CAGGTCGAACAATCCAAAGAGATCACGACATGAATTCATACCTGAAATCAGTCCGAGGAGTGATTTCGTC AAG
AACTAAACCGTATAAGGAAAGCAAGGAGACAACATCGACGAAAGGTCTGGTGGGCTCTCGTGGCTCCAGGA
AAAGTTGATTTAGGAATCGTAGTCGACGACCTCCATTTCAATCAATCTCGGGCAGGACCAGTTCAACTTCTC
TGGGATCCTTCAAACAGGAAGAGAGTCGTTGAGACAGTTCAGCCGACTCGTTGCTTCAACATATGAATCTG
CTTGTGGTGCTGTTACTCCCTGCCAGATTGCTATTCTTTGAAGTCAACAGGGTGGTTGGTTAAGACTTACAAAT
CAAAAGATTATGTTTCGTGTTTCTTCATCTAGTTTCTTGTCATTTTTTTTTTTTGGTGGAGCTGGATGAATGGCCT
ATTTGTACAAATGGAGGGTTCAATTGGTTGGCCAAACACTTTAGAAGATTCTTTATTTCATTGGTTCCAAACAT
AGCAACATTAACCTATATGTTGCTAATTTAATGCAATGAAGCAACATCATTTGTCAAAGTCAAATGTTATATA
AAGAAATGTAAAGTTCTTATACATTGTCAAGGTGTTGTTGGAACCTTCTCTCTGCCTTCAAGAAACAGTTGCTT
GTACACTACTATTCTTTTTGTTTCTTCTAAATCTTCATTGATAACGATCATTTGAACAATAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4003 NM_001053599|Oryza sativa Japonica Group Os02g0541300 (Os02g0541300)
mRNA, partial cds

TCAAACGTGCACCAAAGGTCTCATTTAAGAAGCCCATTGGAAGTGTCAAGTGTCTGGACACAAGTTTGTTGG
ATGTCCGATGCCTTGTGGTGTTGAGCTTACAAGGTTGGAGCATATAAATGCCCTCTCCAGCAATGTTGAGTATC
TAGCTTCAAGAGATGCCACAATCATGGGAAGTCGGAATGGCCATGCGCCTATCTTCTTTGGTACACCCTTAAC
AGAAAAGGCTATAAAGGTTTCCAAAAGGAAGTCCAGAAGTGTCTCAGAAATGCACACTACTTGAAAGACCGG
CTTCTTGATGCGGGAATTAGTGCGATGCTGAATGAACTCAGCAGTACAGTTGTGTTTGAACGACCCCGAGATG
AAGAGTTTATTGGAAGGTGGCAGCTAGCTTGTGAAGGAAGTATTGCCATGTTGTGGTAATGCCCAGTGTTAG
CCAAGAGAAGCTGGACGATTTCTAGCCGAATTGGTCGAGAAACGCTCGACTTGGTACGATGATGAGAACGT
TCAGCCTCCATGTGTGCGCAGCAGAGTTGGGAAATGAGAGCTGTGCTTGTAAAGTTGCACAGGAGTTGATATGG
TTTTATGGAAGTTGTTCTCTGTTGTATTAGCTTGTGTTTGCAGTGAACTCTGGATTCACTTGAATTTTGGGTTAT
AATAGCTGTGTGTTTCAGGTATGAATGAATGGCTATAGGTGTGTATTCGAGTGATAATGAACAATAATATGTT
CTCGAGTTCTCGAAAAAAAAAA

>trans_s_4004 NM_001161233|Arabidopsis thaliana ALF4 (ABERRANT LATERAL ROOT FORMATION
4) (ALF4) mRNA, complete cds

ATCCTAGAATTGGTGGAGCTCGTTTTGAGGCCTCCGAAAGGGGGGCCTCCAGTGCTTCCAGAGCAAAGTGAT
GCGGTTCTTTGCGCCCTCAATCTATACCGTTACGTGCTGATAACCGAGGCAACAGGAAACACAACTATACTG
GGGTTTTGTTGAAGAGCAATTTGCAGAAATCCTATAACGAATGGCTTCTCCCTCTCCGGACGTTAGTGACGGG

GATAATGTCGGAGAACAAGACCGATTATGATGAGATTACGGTGGACATAGAGTGTGCCTTAAACCCTGTAGA
GCTTGTATTATATCGTTGCATCGATCTTGTGCGAAGAGAAGTTGAGATGAAGCTTAAAAATTGGTGGAGATTGG
TGAGAGAGATGGTGACCAAAAGTCTTCATTTCTTCTACACAAGATGATTCATGCTTCCAGTCAAAAATGGAAA
TGCCAAAAGTCTTATGTTTACGTAAGATAATTCACGTAATGAGTCGAGGAAAACAATGGATAGTGTCCCTTA
GAACGTCCGTTTCCAGTTCTGAAACGTGTTGCTGTTTTATTATATTTATTCAACTACTCTTCTTGAATTGACT
TTATGAGAAATTAGGAGACATTAATAGTTGGTTGAAAAATTTGAATCAATCACAAATCGACACATAATTTCTA
ATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4005 NM_001059470|Oryza sativa Japonica Group Os04g0450000 (Os04g0450000)
mRNA, complete cds

ATAGTGATATAGGTTTTCCATTTGTATAAAATGACCACAAAAGAAACACGGTTTTGCGTATAAACTCCCATT
GGCTCTGTAGCCTCATACTTCTCCATCTTCATCTTCATCTTCATCACAATATTTACATGTTTTATGTTTT
ATTTTGTCCATTTAAATGACAGGATCCAAATCCCAATCAGAGTGCTGCATGTGTGGAGATTTTGGTTTCTTTT
GAGCTTTTTCACTGCAAAATCTGCCAATTCAGATCCCAACACAGGTAAGTGTAGCAATTTGTATCCCAAAGCCGA
TTGTTACCGAATATGCAATTGGTGTCTAACTCAAAACCAAGAATCAAACCCCAAATCCCAAATTTCTTCTCCTC
GCCATCATCAACAACAACGATCAATTTCCCAATTTTCGATCTCGACTCAACAAACCCATCAAAAAACAGAGTT
CCTCCTCTCTTGTAATTTTGCCTCCTCCTCCTCCCCCCCCCTCCGCCTCGCCGGAGACTCATTCCCGACGACGACA
AACTCCGTCGGACTAGATCGGAGGAGATTTCCACCGGACTGGGATCAAGCGGCCCGTCATCTTTAGGAATA
AAGTCAGAAGGTACAAACTTCTGGACGAGGTTTCCAGCTGAATTAATTTCAAATCATATCTGTGTTCTTTTTT
CCTTCTCCTCTTCTTTTTAGGATTACTAAATATTAGTGAAATATAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4006 XM_002865457|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata metalloendopeptidase/
metallopeptidase/ zinc ion binding protein, mRNA

TGGTAGCTACTGTGATGCAGCTGCCAAGCAGTTGGCTTGCTGGATTCGATACAAAAGTGTGATCAAGATGGT
GACAACAGACTCCGAGTATGCCATTCTGCTTGTCAGTCATACAATCTAGCTTGTTGGGGCATCACTCGACTGCTC
TGATCAGACCCTTTTTCAGCAGCGAGGAGGAAGGTGAAGGGCAATGTACTGGCTCCGGTGAAATCAAATGTC
TTGGTTAATCGATTGCGGAGTAGCTTATTCGTAAGTAACAGCACCTCGAAAGGAGGGAGGTTTGTAAATAG
TCTCAGTTGTAGGGTCTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTCTTTGATTTTGTTATTATCGATCGGGTTTGTAAAT
TACCAAGGGGTCTTAAGTTAGGGGGTAGAGTTGGCAATGCAAATGCCTTTAGATTTAGGTCTGGAGTTGTGCT
CAACCCAAAAATGATTTAAGGAAAAATTGGGTTGAAAGAGTGTCAAGTTTTAGGCTTTCAAAGTGAAAGCTA
TTTGTAGAGAGAATTTGTAAGTGTATGAAAGCCATGAGAGGTAAAAAAGAAAAAGAAAAAAGTGAA
GTCGGAAGAGCTTTGTTGATGTATAACATAAACTGGCCGAAGGCCCTTCAAATTTAGAAAGAAAAAAGG
AAAAAAGCTTCCTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4007 AL161513|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 25

GGATTGTTAAATGAACCACTTGAAAAGCAGAAGGAGAAATGTGGAGGTTCAATTTGAAACATTTCCCACTTGC
CTAAAGAAGACCTGCCTCAATCCCTCTCCATTTCTCAACCTTGAAGAATCATCTTCATCAACCATTTTCAAGTTC
CTGTGTTGCAACAGAAGAATTTGAATCTGTCAATGTTTTAGCCCCTTTACCTGCTGAAATCCATTCACACCA
GCAGAAACCAGCTGCTCCATCAAGCTTGAAGTTACAACAACCAACCACAACCATCATCATCGCCATTGGCTGC
AAGCATTTCAACCAACCATCATCTCCTTCTTCAAGACCATCCCCAGTTCTGTTGAGTGGGATCGCACGCTC
AATTCTTAAGAAAAAGATAACCAGCGCGTCATCTCAGGGATTGTTGATCAATCGACGCCCAATTCTTTACACGA

TCCCTGAATCTATCAAGAGCTTTGAAGTTGGTCTTTCAGAAAATCCTGACTCTGCTCCAAAACAAAACAGTTT
TCTATCAGCTTTGTGTGCGACTCCAAGAAGTGGAACGAAGGCGATATCAGCATTGGACTCTAAGAAAATGCTGG
GCTGGAATTTTCGTGGGATGGACAATGTCAATCTAATAGAAGGATTAAGCTACATGGTTCAAAAGTATGAGCC
ATCCATTGTAGTGATCTTTGGCACCAGAATCACTGATGATGTTGTTGAGGAGGTTGTGGACAAGCTCGCTTTC
CCTGGTTCATATAT

>trans_s_4008 NM_117213|Arabidopsis thaliana EIF3A (EUKARYOTIC TRANSLATION INITIATION
FACTOR 3A); translation initiation factor (EIF3A) mRNA, complete cds

CTTTCGAGTACGGTGGTGGAGACTAGGATGGAGACGTAGATTATGGCTTAAGTATTTTCCAGATATTCTTATG
GGTGGGCAACTACGATTTTGTGCTGCTTGTAAAGTTGACACATGCCACCTTGTGTCTTTCATACTTGATGATTCTTC
AATTGGTGAAAGATTCTCAACACCTTCCATCTGTATCTTAAATAAAGAACTTACGTGCTGGAGGTTGAGTTAAG
CAAGCAAAGCCACGAAGGTGACCTCAAGGAGAAGAATCGATTGGCGAGAATGTTGGAGAGTAAGAAAATAT
TCCAAGAAAGAGTAATTGGTCTTCGCCGAGAGAAAATCCAGCAGACGTAGAGCTGAGAGAGAAGAACATATCA
GGCAAATAATTGAGGCTCGGAAAGCAGAAAGGGAGGGTAAGAGGAAGAAAATCTTTTATGTAAGACGTGAA
GAGGAGAGAATTAGAATATTACGTGAAGAGGAGGAAGCTCGCAAGCGTGAAGAGGCCGAGAGGAGAAAGA
GGGAAGAAGCTGAACGCAAGGCTAAATTGGATGAAATTGCTGAGAAGCAGAGACAGAGGGAGCGAGAATT
GGAAGAAAAAGAAAGATTGAGGAAACAAAGTCTTTTGGTGCTGCCAGATTAGCTGATGCACCTGCTAGACC
TGACGTTGCTCCTAGCTCTCGACCTCTGGATTCCGGGACTGCTGCTCCTGCCGCTACTGCAGCTGCTGCACCAT
CCCCTGCAAAATATATTCCGAAGTTTCGAC

>trans_s_4009 AY108497|Zea mays PCO123254 mRNA sequence

ATTTGCACACGGTGCGGCGGCGTCATCCAACCTAGCTTCGTCTTTGCCGGTTCCGGAGATCCTCAACTCACATT
CACCATGGGGAAAACACGAGGAATGGGAGCGGGTCGCAAGTTGAAGTCCCACCGTAGAAGACAAAGGTGG
GCTGACAAAGCATAACAAGAAATCCCATCTTGAAACGAGTGGAAGAAACCATTTGCTGGATCTTCCCACGCAA
AAGGCATTGTTCTAGAAAAGATTGGTATTGAGGCTAAGCAGCCTAACTCTGCTATTAGAAAGTGTGCTAGAGT
TCAGCTTATTAAGAACGAAAGAAGATTGCTGCCTTTGTCCAAATGATGGTTGTCTTAATTACATTGAAGAAA
ATGACGAGGTTCTCATTGCTGGATTCCGGTCGAAAAGGACATGCTGTTGGTGATATTCCCGGAGTCAGATTAA
GGTGGTGAAGGTATCAGGTGTATCTCTGCTTCTCTTCAAGGAAAAGAAGGAGAAGCCAAGATCTTAAGC
TCCTCAGTTTTCCAAGATAGATTATGTTGCTATTCCCTCCAATTATTCTCCCTGATGCAGTTAATGAGCAATTGA
TGCACACTTTCCTCTATCCCTAGTTAAGTTAGATTACTCGGTTGACTGATAGAACTTGTGCACCCAACCTTTT
TGTTGAGACATGATAAAGCATAACTTTCTTTGCGAACAGAACAGATTCTGTTATGGTTAATTTGAGTGTAAATAC
ATCATCCCCTTCCCTTC

>trans_s_4010 AY106899|Zea mays PCO110557 mRNA sequence

AACGTCGTCGATCTCGTCACTCGCCTCGTTCGGCACACCATTTTTCTCCTTTCGTGATTGGTTAGCAGTTCTTC
AACATGAGGGCTAAGTGGAAGAAGAAGAGAATGAGGAGATTGAAGAGGAAGCGCCGAAAGATGAGGCAGA
GATCCAAGTAGTTTGTGTCTTCTTTAAATAAAAAAAGACAGCCGTTCTTTTAGTTTCTACTGATCTAGGACGA
GTAATAGTTCATTTTCTGTGTTTTTGTGGATTTTATCGAGTTTTTTAGTTTCGATGAGCAATTTTGTGAAAC
TACTTCCCTCTGGGATCTACATTATTGAATTCACTTTCTGGAGTTTCTGAAATATCAGTTGATGTTATGTTGTTT
GTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAACAAAAA
AAAAAAAAAATTTAAAAACCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCCGCCCCAAATCCCCCAAAGGGGGGGCGAA
ATACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCCGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAAATTAATCC

CTTGAAAAAATCCCCCTTTCCCCAGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCAAACCCCTTCTCCAA
ATTGGCCACCCCGAAAGGGG

>trans_s_4011 DQ836050|Polygonum sibiricum RD22-like protein (rd22) mRNA, complete cds

ATCCTTTAACTTTTTTTTATTATAGTTTGGTTCGAGCTTTTGTGGTTTAATTTGTTTGCTTCAATGGAGTCTCGTT
TTTCACTCCTACTTCTCCTAATGATCTCCCTTGGGATTGTTTGTAGTTATGCTGCCGATGATGATATTGATATCTC
GCCTGAACAGTATTGCGAATCTGCCTTGCCAAACACTCCTATGCCCAAAGTTATTACACATCTCCTCGGTTCCG
ACTTTCTAGAAGGGAAAAGCACTTCAGTGAATGTTGGTAAAGGGGGCGTAAACGTCAACACCGGAAAAGGCA
AGCCTAAAGGCACCTCCGTTAACGTGCGGAAAAGGCGGAGTGAACGTCAACACTCCAAAACCAAAGCAAGGA
GGCACTTCCGTTAACGTGCGAAAAGGCGGAGTAAACGTCAACACTCCAAAACCAAAGCAAGGAGGCACTTCC
GTTAACGTGCGTAAAGGAGGCGTTAACGTCCACACCGGTCGTAAAGGTAAACCGGTTTATGTTGGAGTTAA
CCGGGCTACAGTCCTTTTAATTACGTATACGCAGCCACAGAAACCCAAGTCCATGATGACCCAAATACAGCCCT
TTTCTTTCTTGAAAAAGATCTCAACCCTAATTCTAAATTCACCCTTCATTTCCCTAAACAAACAACACCACCAC
ACTAAGTTCTTGCCACGTGCGGTTGCCAAATCACTCCCTTTCTTCCAAAACCTGCCCAAATCCTCACCCACT
TCTCCATTCTCC

>trans_s_4012 NM_001067074|Oryza sativa Japonica Group Os07g0661600 (Os07g0661600)
mRNA, complete cds

TGCTCTTCTGACGAATTAATGTTTCAGTTCTTTCTTAACCGTTTGGGATGATTGTTTTCTTTAAAGAAAATTTA
TTTCTCACTAGACTGTATTCTTATTTGACTGCTTGCTTTATATATCGACTTCATATAATTATATTGTTCTATTAAAT
GTACTTCAGGCGAACACGTTCTCAGTCATGCCCGTTCTGTCGTGACAGTCTTAAGAGAGTAAATTCTGGTGATC
TCTGGGTATTTACTGATAACAGGGACATTGTGGACATGGCAACGGTGACTCGAGAGAATCTGAAAAGGCTTTT
CAAGTACATAGATAAATTGCCTACTATTGTTCCAGACTCCCTTTTCGACGCCTATGATACACACCTAAGATAAG
TGATTGGTACATACATAATCTAATGTCAATCCTTAAGTAGTTTCTCTCAAATGAACAGTCTTTTTGTTATGATA
TGGCATGACAAAACGACCGAAATTCATTGGGCTAAAAATTAGTAAGAGTTAGAGAAGACTTGCAACTATTCT
TCCCACTTCCATTTCTGAAGGGAGAAAAAAACCAGTCTTTGAGTTATTGTAGACTGGTATTGGGTGGGAAAGT
TGATATGGTTTGATTTAAAGTCTTCCATAAAAAATTGTATTTAACACATTTGTATATGTTTGTACATTCTTGATGT
ATCTATTAAGCAGCTTTGAATGCTTAATTTTTCTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4013 XM_002329662|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC017),
mRNA

TTAAAGAAGATCAGAAATGGCACCAGTAGGGTTGCCTCCAGGGTTTCAGGTTCCATCCCACCGACGAAGAGCT
CGTCAATTACTATCTCAAGAGGAAGATCAGTGGTCAGGAAATCGAGCTTGATATCATTCTGAAGTGGATCTC
TACAAATGCGAGCCCTGGGAATTATCAGAAAAGTCGTTTCTTCCAAGTAGAGATCCAGAATGGTATTTCTTTG
GGCCAAGAGACAGAAAATATCCAAATGGGTTTCAGAACAAACAGAGCCACAAGAGCAGGGTACTGGAAATCC
ACCGGAAAAGACAGGAGAGTGAGTTCACAAAACCGAGCCATTGGGATGAAGAAGACGCTTGTTTACTACAGA
GGTCGAGCCCCTCAAGGGATTAGGACCGACTGGGTCATGCATGAATATCGCCTCGATGACAAGGATTGTGAA
GACAGCTCTGGGATTGAGGATTCTTACGCCTTGTGTAGAGTATTCAAGAAAAATGGAATATGTTTCAGAAGTGG
AAGAGCTATTAGTAGGTGGGCAAAGCAGCAGCAGCAGCTTGTCAATTTATGGAGAACTCAAACCTCAACATCAC
AACTTTAGTCAATGATTACGAACTCTATCACCTGATATTCTGATGGCAGCTTCATCTTCTGTGTGGAAGAA
GAAGAAAGGATGATTCATGGATGCAATTCATTACAGAAGATGCATGGTGTGCTTCCAATTCATCAGCCATCGG
CCTCGACGACCTCTCTCNACTGACTT

>trans_s_4014 AF104391|Cucumis sativus ubiquitin-like protein (UBI-1) mRNA, complete cds

GCTCATTCTTTTTAATTTTCTTCGCGATGAACTGAACGAAACGAACTTTCCCAAAGCACAAGCAAGAAACTTCT
CGCCGATTCCCAGACAGCGGCAGTGGAGGCAGTGTTTTATTGAAGTGTTGATCCACTAGTTCTTGTTTCAAGT
CAACCATGGCAATGTATATCCGAATCAAGCGCCATAAGACAACCTACTTTATCCAGTGTGATCCAATTGAGAC
AACTTTAAATATCAAGCAAAAATTAGAGTCCCTTATTGACCAACCAGTAGTTGACCAGCGCTTGATCCTGATGG
GGAGTGGGGAAGTATTGGAGGATTCAAAGACACTGGCTGATCAGAAGGTTGAAAATGATGCAGTTGTGGCT
CTAACGTTGCGAAAAGAAGATAACGACTTCGAGGAAATCAACATTGTCCATCCAAACGATTTCTACCAATCTC
GTGATGCCGATTCTGGCAATTGGTAAGGACTGAAAAATTTGCTTCAACTGTGGGTAGTATATGATGTTTACTC
ATCAATTTACTGTTTAAACCACTTTTCCATCTGTTGAGTGGAATGAAAATGATGAAAAAGAAAGTATACTCTA
TGCATGATTGGATATAGATTACTCCATGCTTTCTATTTGTTACCCTTTTAAGTGATATCCTCCAAGAGTTGCACT
AATGATTGAACTCATCCATGTATTGTTGTTACAATACTACTAAATATGAGTTGAGGATTTCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4015 NM_114851|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L26 (RPL26A) (AT3G49910)
mRNA, complete cds

CATTACCAGGCCTTCCTATCCCCTTCCCTTCCCCCTCCCCATTCCCATTTTTGCCGGCCGCCATGAAGTACAA
TCCGAGGGTTTCCAGTTCCTCGTCAAGAGCCGCAAGGCTCATTTTTCGGCTCCGTCCAGCGTTCGTGGGTT
ATCATGAGTGCTCCTCTCTGACTGACCTCCGGTCAAAGTACAACGTACGATCTATGCCGATTCCGAAGGATG
ACGAGGTCCAAGTCGTCCGTGGAACCTACAAGGGACGTGAGGGCAAGGTAGTGCAGGTGTATCGTAGGAAG
TGGATTATCCACATCGAGCGCATTACAAGGGAAAAAGTTAACGGTTCCTGTCAACGTCCGCATCAAACCT
CGAAGGTCGTGATTACGAAGCTCAGGTTGGACAAGGACCGTAAGTCACTTCTGGATCGTAAAGGCAAGGGCC
GCGCCGCCGCCACAAGGATAAGGGTACCAATTCACCGCCGAGGATATCATGCAGAGCGTCGATTAATTTT
GAAAATGGTGATGTTTAATTTGATAGAAGTGTATTTTCTTCATAGCTATCTATTGTGTTTTGTGTTCTTAAGA
TACTAGGAAAACTTCCCTCGGACATGTGGCTATAATTGTCGACTCTAGAGGCCTTAATTTTTATGGTATTTTTAA
ATCACATTTTGTATTCCAATGAGAGCTACTCTTGATGTTTGATTCAAAGTCTGCTTGCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4016 EU325897|Poncirus trifoliata FERONIA receptor-like kinase mRNA, partial cds

TCTTTGTGAAATACTCTGTGCTCGTCCACCACTGGTACACTCCGCAGACAAGAAGGAAGTGTACCTAGCAGAG
TGGGTACGACAGTGCCACCGTAATAACACAGTGGCTCAAACCTATTGACAAGAACATAAGAAAATGAGATATCA
CCAGAATGCTTGAGAAAGTTCATAGAGATCGCTGTGAGTTGTGTTGAAGACGTTGGCGTAAAGCGGCCATCA
ATGAACGACGTGGTGTGGGGATTGGAATTTGCATTGCAATTACAAGAGGCATCAAAGAAGAAGGTAGACGA
AGATGACGTGGGGAGCGGCAAGAGGGACAGCAGCGAAGAACGGTGGTGGTTGGATGAAACATTGTTTAGT
AGTACTGGTAGTGGGAGACGCGACTCGGAGTTGGGGGTGAGCAGTTACGTGACAACGAGCAATAGTGATGA
TTCGAGCTGTACACATACTAAAGGAATGTCCGGTACTGTTTTTCTGAGATCAAGGACCCTGCAGGAAGATGA
AGGATTTGTGCAGTAAGATTATTTTTTTTATTTACTTTCCCGTAATTTCAAATACAAGTTTATGACAACATTAGG
AAGAAGCAAGTGTCTTAGTTATTAATTACCGATAATTTATAATGTAGGCTTTGATTTAACATGCAATTAGATT
GATCAGTTTTTTAATTGTAAATTAATTTTATGCAAATTTATGTATAATATTGTTAGATAGTTTTTGTACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4017 NM_122039|Arabidopsis thaliana DCL4 (DICER-LIKE 4); RNA binding / protein
binding / ribonuclease III (DCL4) mRNA, complete cds

TAATGAGTTCAC TTCAATTTTGATTCATTTTATGGATGAAATTAAGTGTAATGAGTCTTATTCAC TTCTTACCC
ATCCCCCATGGAACCTTTAACACCATCGAATCACTTTTCAGATAAAGAAGAAGAAGAACAACAACAA
CAACCAACCAAGAATTTATTCCGATCATCGAAAGGCCTGAATCTGCACAACCTATCCCATTTCTTGGATTGTAT
ATCAACACTTTTCTTGCTCTGAATTTGATTGATGAGACACTGCACAGAAATCGTCGGAGCAGAGCGAAAGAATC
GAGGAATTCAGATGGAGAAGAACAATCCTTCTTGCTCCTCCAAGATTAAATATCAATCTTAAAAATCTTCCTCCA
ATTAATAACCCGCGCAATGTTACTGGGACTCACTCCTCGATTCCGGCTAAATTTGAGAAATCTAGGTATATTAG
GCGCGTTCCCTCAGTTTATACCGTTTGATCACCGGCCGGAATAAGGTCGAATGATTACCCTGGCTTGCCGGCG
ATGAAACTAGCGTGTTCTGATTCCGCTCGAGCTATGAACACGAAGACGATCCCGGTGGCTCCGTCGGCGGATT
ACTTCGTTCAAAGAAAGATAATTGCAAGGATTTAGCTTCGAGGTGTAGTTGTTGCAGACATGGCTCGACCAA
AGAAGTACTCCAGAAAAGAGAGCGGCAAAGTCCCTTCTATTTGAGATATGCACTGCNAATCACTGGCAGCC
TCCTCTATTTGAATGCT

>trans_s_4018 AF370544|Arabidopsis thaliana cyclin delta-3 (F28A23.80) mRNA, complete cds

AAACTAACGGCTGCGCTTATCCATCGTAATCGGAAAGTTAGCAAAAGAAAAATGAAAATTGGTGGTGGAGTG
GTCTGTGGAAGTCCACGCGCCGCCGCTCTTCCCTCACTTCTTCTCCGCCGTCGTGGAGTCACCGTTCGTTGCTCT
ACTTCTTCCCTCTACTGCCGACCATGTATCATTATCAAGGATGTTGCTGCTACTGAACCTCCTCAGCATCTGTTT
CATTTGCTCAAATGCTTAAGACTAGAGGTGCATCCATAATTTCTCCTGGAGCCAAGCAAGGGATTATTCCTCT
CGTTGTTCCACTGGCAAAAAACAGCACAGGTACTATAACTGCACTGCTGCGCTGGCCTACAGCACCTGCTGGG
ATGGAGATGCCAGTAGTGGACGTCAATAGGAATGGAGTGTGGCTTCTAGCCAAGAACGTTGATCAATTTATTC
ACAGACTTCTAGTCGAAGAAGATGCCAGAGGAAGTAGAGAGCAAAATGATGAGCTATTTCTTGAGCCGCTG
ATGCTGGGCAAAAACCTTTACGGGAGGGGTGATTTTCTGAATCTCAGATCACAACTTAGATGGATATCTGCT
GAAAAAGGTTGGGTTGTTTCCAGATGTCATAGAACGGAAAATATTACGCCATTTTGAGGAAGGCGACCTTGTT
TCACCTCTAGTAAGTGGAGAGTTCTATACAAAGAAGGAACACTTCCCAGGATTTGCAAGAACATATGTATTTA
ATGCTGGGGTTTTTGCTG

>trans_s_4019 AY104216|Zea mays PCO109946 mRNA sequence

GCTCATTAGCAGGATCTTCCAAAACGTACCCCTCATGACTAAGGTGCCAAATATTCCGGTCTCGGCTGTATATC
GATTTCTTCGTGACTGGGACTGGCACGTTATGTCTCTTGGCATATTCAATGGCATCTTCTCTTCTGTAATGTCC
CATTCTCTCCAGGGAGCTATAACACGTAGTTTGGGGTTTCAGAGCAAAGAATGTGAGCTCAAACCGTACCTGAT
CATTTCTTTCCCTGTACAACCATGAGCAACAGCATCAGCTCCAACCTCTTTGGCAACATCGACCATGGCCTTG
GCGATGACAGGACGAGCCATGGAAGTTCCAAGCAAGTATTTCTTTTATAAATGGCACCAGCTCGCAAGCAG
GGAAACACGTAGTCTTCCACAAATTCATCCCTTAAGTCCTTCACAACAAGTTGACAAGCTCCACTCGCTTTCGC
CTTTGCTTCCAAACCATCCAATTCCATCACTCCTTGCCCAACGTGAGCAGTGAAGCAAACACCTCGCACCCATA
TTTCTCTCGCAACCATGGTACGATAACCGATGTGTCCAAGCCGCCGCTATAAGCTAAAACAACCTTTGTTCAATC
TAGCGGGCATCACACCGTTGGTATAAGCAACGCTAACTTCTCCCATCTCTGTAATAACGTCAATGAATCCTTGA
ATTCCGAATTGAAAGGGCAGCAGAGATTAAGGAAGAAGATGATGGAGAAGAAAGAGGAAGCTTGAGAGAA
GCTTTTCGCCGGAAG

>trans_s_4020 AY494981|Triticum turgidum A genome HMW glutenin A gene locus, sequence

ACG GTAAGCATTCTTCATAGATTCATTGCAAATTTTCGTTCTTGCGCCGTCGCATTTCAATAAGTTTAAACCTTT
TCTTCAAATTTTGGGGTTCGATCTCTCTATTTGCATAAAGTTCTTCATGGAAATTTGTTTCTCGGAAAGTCG
TTTCATGATTTTATTTGTGCGTACAGCAAAATCATCCTTTCTGCTTGAGCCTTCTCTTTCTTTTCCACGGAGA
TGTGCTCCAATGTAAGTGGATTATATCAATTTCAATCCACCCCATATTCTTTCCATTATTTTGCTGATTGGTTTAT
AATTGCTCTATTTCCATCTGAAATTTGTTTCTTGTCATGGTTAATCTCCCATGATTCCTTGCTTCTAATCGAAGT

AGTTTAAATGAATTTTATTCGACGTTTCCTTGTTGTGAATTGGATTTTACAAGAGGAAACCATCGTTTTTCAATG
GATCTGAATTCCCCTGCCGATGTAAATTTCTTGGTTCGTTTCATGATGCAAGTTAATAGAAGCCATCCATTTGAT
GGGATTTCTTATGTATGTAGATACGTTATGATGGTTTCCTGTTTTTCATATTCTATTCAACATATGAAGTTTTCTT
AAATTGTTATGAACTGAAGATCCAGAGGTAGTAATTCGTAATTTGTAATTCGATTTTCAATATGTGAAATGGT
TTTTACATAATCATATATTGTATGAAATTTCAAAAAGAAATGAGGGTTTTACTTTAAGAGCCAAATGAAACG

>trans_s_4021 NM_001071100|Oryza sativa Japonica Group Os10g0406600 (Os10g0406600)
mRNA, complete cds

ACTTTTGTTCAATGCCAAAGAAAGAGAATCTCTGTTCTTCCTTTCTTCTTTCTTCTTTGCTTCTCACCGTAGGA
TTCTTCGAGTTCTTCGAAAATGGCGGCTCCAACAAGATCGGAGGCTCTTCGCTTCTCCGCTCTCTGATCCGT
ACATCCCGTCAGTTCTGCGATTACAACATCAGAGAGTACGCCAAACGACGCGTCGTCGATGGCTTCCGCCATA
ACCGAAACCTTTCCGACCCTTCATCCATTTCTCCGCCTACGCCGATGGAAAGGCTCAGCTTGAAGTTGCTAAA
AGACAGTCAGCCATTTACTCCCTCTATGCGCCGAAGGTAAAGAGCATCATGGAGGCTCATCGCATAAACTGAC
AGAAGCTCTTTGCCTTAATTTATTGTAATTCTAATTCTATTATGATAGATTCGTGAGTTAGGGTTTATTTCTGC
TTCACGGATCATACCTTCTCATACCTTTTCTACTAAGAATTTAATAAATCGCTTGTCTCTGGTTTTTGCTTGTT
GTTTGTGCAATTAATCCTTTATTGTGGGATGGAATATGTAATATTTGGTGATGATGAACATGATTAGACTGATA
TTCTCATTGGTTTTGATTTGTTGGATATGATCTACTTACCTTTTTTTGTATGGATAATATCCATTGTAACAACAGA
TTTTAGTCTTGAAATCTTGTCGGATTTATTCAGGTAGGAGTTGCTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4022 FJ231520|Cucumis melo invertase 2 (INV2) mRNA, complete cds

ATACAGGCAGCAACATAATCCAATGGCCTGTGGAAGAGGTGGAAAGTTTGAGACTGGGGAGCAATGAATTTA
ATGACGTGCTCCTCGTACCTGGTTCTGTCATGGAAGCTCGAAGTCGGCCCTGCTACACAGTTGGATATATTGGC
GGAGTTTGAAGTGGAAGTGCTCGGGTCAGAGAATGGTACCGTCTCCGAGGAAGGCTGTGGTGGGGGTGCGG
CGGAGAGAAGTAGTTTAGGACCATTGTTGTGTTGGTTTTGGCTCATCAATCGCTTTCCGAGTTTACTCCTATT
TACTTCAATGTTGCTAATTCAAGTAAAGGCAGTGGGGAAGCTTACTTTTGTGCCGACGAGACAAGGTCATCAA
AAGCTCCTGATGTTTTCAAACAAGTTTATGGAAGCAAATTCCTGTTTTAGAGGGTGAAAATTACTCCATGAGA
GTGTTGGTGGATCACTCAATTGTGGAGAGTTTTGGACAAGGTGGGAGAAGAGTGATAACATCACGAATTTAT
CCAACAGAAGCAATTTATGGTGCAGCCAAGCTTTTCTTTTCAACAATGGCACATCAGCAAATGTAAAGGCCA
CTGTCAAAGTATGGCAGCTCAATTCTGCCTTCATTCAACCATATTTTGTAGTCCAACTGTCTGAATAATCATT
TTCAAGTCTCATCATTTGAGATTTACCTTTTCTTTTATTAGCCATTGCTTGAGTTGTAGCTTTTGGCTAATCTG
TATCAATTATTGTTTCT

>trans_s_4023 EF197846|Arabidopsis halleri miR319a microRNA locus, genomic sequence

CTTTTGTAAGGAAAAACAAGGTGCAGCAGCACACCGGTTTTTTGAAATCCACTTCCATTTCCGCCATGGATG
AACCTCAACCTCAGCCAGTTTGCCTCAGGAAGCTCTCAATTTGCTCAACTGCGTTACCGAATCTCCCTTCGATC
AAGACAAATGCTACCGTCTCCTTCATTCTTTGCGTGAATGCGTGCTCAGCAAGAAAGTGAAGAAATTCTCTCTG
GCTGAAGAAGAACAACAAACCAATAGTCAAGAAGAATTCTGAAGGAAGCAATTTTGAAGACTGATTTT
GTCCATTTTAAAGTAGGGTCTTGTTACTTTACTTGATTTTTTTTTTTTTCATTTCTGGAGAGATTGGACTTTGC
TGAATTCTATCAAAATGATTTAGAATTGAATTCTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATAAAAAACCCCCC
CCCCGGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCATTCCCCCAAAAGGGGAAAAAAACCCCGCCCCCGGGGCCGTTTT

>trans_s_4027 AY104229|Zea mays PCO069180 mRNA sequence

GAGTGGTTGGCAAAGCACTTTATGATGGACAGCTCTTGGATGTCCATTTCACTCGATCATTTTACAAGCATATT
TTGGGAGTCAAAGTTACCTATCACGACATTGAAGCTATTGATCCCGATTACTACAAAAACCTAAAATGGATGCT
TGAGAATGATATTAGTGATGTTTTGGACCTTACGTTTAGTGTTGATGCTGATGAGGAGAAGCTGATCCTCTAT
GAAAGGACAGAGGTGACTGACTATGAACTGATTCTGGTGGACGGAACATTAAAGTCACAGAGGAGAATAA
GTACCAATACGTTGATCTAGTTGTTGAGCATCAATTAACAACGGCTATACGTCCTCAGATTAATGCCTTTCTGG
ATGGTTCCATGAATTAATTCCTAGGGAACTGATATCTATTTTAAATGACAAGGAACTTGAATTGTTAATTTGC
GGGCTACCAGATATTGATCTGGATGACATGCGAGCAAATACAGAATATTCAGGATATAGTGCTGCATCTCCTG
TCATACAGTGGTTTTGGGAAGTTGTTCAATCCTTTAGCAAAGAGGACAAGGCCCGGCTTTGCAGTTTGTGAC
TGGCACCTCAAAGGTGCCTTTAGAAGGTTTCAGCGCTCTGCAAGGAATTCAGGTTACAGAAGTTTCAAATA
AACAAAGCATACGGCAGCCCAGACCACTTGCCTTCTGCTCACACATGCTTCAACCAGTTAGATTTACCAGAGTA
TCCTTCAAAACAACCG

>trans_s_4028 NM_001035712|Arabidopsis thaliana AAA-type ATPase family protein (AT3G28540)
mRNA, complete cds

TCAGCTTGTGGTGGGGAAAGGCTTATTGTTTTCACTACTAATTATGTAGAGAACTTGATCCAGCACTTATCAG
AACTGGTCGGATGGATAAACATATTGAGCTTTCTTATTGTAGCTTTGAGTCATTTCTAGTGCTGGCGAAGAATT
ACTTGAATCTCGAACTCATCCGCTATTTGATCAAATCAAAGAACTGATTGAAGATGTCAATATCACACCTGCT
GATGTTGCAGAGAACCTCATGCCAAGTCTCCAAAAGATGACCTTGAGAAACGTATTCACAAATTGATTCAAA
CTTTGCAAGAGGCAAAGGAAGCAGCAATAGTTGAGGAATCTCAAGAAGCAAATACAGCGGAATCAACCACAA
CCTATCTTCAGTCACAACTGAAGGTGAAGGCTCATCTTCTAGTTGAATTTAGCACTTTCTGCTTATTGCTTGTT
AGGCTCACCTTCTAGTTGAATTTAGCACTTTCTGCTTAGTTCTTGTTTAGCACATCTTCTAGTTGAATTTAGCACT
TCCTTTTATGATGGCTGATAATTAATCAATGCTACGTGACATATTTAGCTCTTCTGTCTAAAAATGGTATAG
AATTCTCTTAGTTAATAAAATGTTCAAATTGTTAGTTGATATAACATTTTTCGGTAGTATGGCTATGTAGTTAAA
GACATCTCTTCTTCTATTACAAGTTTGTTAAACAAATCATAGAACTGAATCAACTTCGTTTTCAATTTGATTTG
ATGCT

>trans_s_4029 NM_001050989|Oryza sativa Japonica Group Os01g0783500 (Os01g0783500)
mRNA, complete cds

CCTAAAGATTTTGGAAATGATTCTCAATTATTGTTGAACTACAAACCTTTGATAATAACTCCAGTAGATACAAA
AACAGCAAGTGTAATGGTCATTGTCATTAGCCGTTTCAATGGAGGTTTCTTACTGCAATGAGGACGTTTCA
GTGAACAATCTCAGAGTTGCAAGAGACAATTCAGAAGATACAGATATGATTAGTTGTGAGACGAGTTCTCTTG
CCCAAGACGCCAATAATGTTTCGTGTCAATGGACACATACATGGAGATGAAACCCACACATCTGCTGCTGAAA
CGCACAAGATGAATTCAGGATCACCTGTCTCAGCTATAAGTTTGAAGATGAGGAACGAACCTAGTGAGTT
GATGAGTGATGTTTCGTCCTTGAATTGAGATTGTCTAGTCCCCCTCGTGCCCATTCATAGATCAACCAGTCAT
ATCCTTGAAACGAGGTTTGAGCTGGTAATTTTTTTTTCTTCTTTTTTGTCTGAGGTTTCAGTATTAGCATAAA
AGACCTCGGTGTTGATTAGAAATTGTGAAAATCCGTAATCATTAAAGTATAAAAAATATTGGTTCCCGCTACTC
TTTATGCAATAGGGGGATGAGGGTGTGATTACAGATTCTGGATAACTTGTTTTATAGTTCAATAGAGATT
AGGTTCATAGTTTCTTCTAACATAAATTAATAAACTGATATCTAAATGTTGACCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4030 NM_105402|Arabidopsis thaliana zinc finger (MYND type) family protein / F-box
family protein (AT1G67340) mRNA, complete cds

TTCAGGCAGGCGTAGCGCTCTGTGCTCGAGCCGCTTTTCTAGGCCATGTGGACGCACTTCGCGAACTCGGCCA
CTGCCTTCAAGACGGTTACGGTGTGAGACAGAACTCCGACGAAGGCCGCCGCCTCCTCGTCCAAGCCAACGCC
CGTGAGCTTGCTACGGTTCTACTCTCCTCCTCGAGTATATGGCAACAACAGCGCCACAACCAATCCGGCAACCT
CCCTGATTTGACAGCGACTCGTTGTTGCTGAGTGATTTTCGGTTGTAACGTTCCGGCACCAGAGCCACATC
CGGTGAACCTGTTTTGAGAGAGTGTTTCGAGTCGGAAGGTGAAGTGGCGGCGCGTGGGGGTCTGAGACTT
TGTCCGCACAGTGGATGCGGTGAGCGGAGACTCGGCCGCACGAGTCCGACGGTGCTCAGTTTGTGGGACA
GTAAATTACTGTTCAAGAGGATGCCAAGCGCAGGATTGGAAAGTCCGGCATAAAGAGGAGTGTACGACGGTT
CAGCGGTGGCGGGATGAGGATGCTAACAATGCCGACGAGATGTTTGATATTGTAGAAGAGGTTGAGGACGC
CAACAATATCGTGGGTATTGTATAAAATCCTAACGCCGCCGTAATTTTTGTCTATTTATGGATATGAATAGTTTT
TCTGATCTTTTAATTTAACGATTTCCCACTTTTAACTTCGATTTACATTAATTTATTCAATTAACCTAATTACGA
CCTTAAATTCTTAATTT

>trans_s_4031 NM_126549|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing
protein (AT2G05230) mRNA, complete cds

TCAAATACTGGATTCAAGACGGTATATCAAAGAAATGCAGATAAAGATGCCATTCGTTGGATTCCAAGGAA
AGAGATGGTACGGTTTTCCACCAGGTACCCTCTTATTTACTGAAGGGAGAAGCTAATAACTTGCCTGAACATT
GTTGGGATCTTGATCCGGCAGCTACTCCTGACGAACTGCTCCACACTGCAACAGAAAATGAAGGGTTGACTGA
AACCCAGTTGAGCTAAGCAGGAGAAAGAAGATGATAATGGATTGGAGTCAATCTAAGCAGTCTTAACCAAAG
TTAGGTCTAACTGTACAAATATGTCTCAAGAGTTTGGCCAAATGCCATTACAGACAAGACGAGAAATCTACAG
TTGATTTGGATAATGCTCGCTTCTACGACAACGAATTTAGCTTCAAGTAAATTTCACTTTTACGAAAGGACTATC
TCTTATCTGGACTTAATCTTTAAAGGAGCACTTGAAAATTTTTCGTTGGCGAGCACTTTGAGGCTTATTATCCT
GAACTGCAGCACAACAAATACAATATTATGCTACGTTCCCTGCCTTGTTAATCAGAAGAGCTTTGTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTCTTTTTTCCAGATTAGTTTCTTACTTTGTTCTAATGGAAAATGATCAAAAACCTTGGATGTTTAA
TCGCTTGATTTTGTGTAATAATTTGAAGCTTCAATGCTTTGAGGCCTCATTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_4032 DQ822930|Glycine max MYB transcription factor MYB91 (MYB91) mRNA, partial cds

AAACCAGAAGCAAAAGTGGACGTCAGAGGAAGAGGACGCACTTTTGGCTGGAGTCAATAAGCACGGTCCTG
GAAAGTGGAGAACATTCTTAAAGATCCTGATTTTCGCTCCCTCTCTCACTCATCGCTCTAACATTGATCTCAAG
GATAAATGGCGTAATTTGAGTGTGAGCACTGCTTACAAGGCTCAAAAGAGAAGTCTAGGGCAGCTCCTAAA
GCAAAAGCCATCGTTGCCGCTAAGCGTATGAAGTACGAGGAGCTATTTCTGTGGAGACAAGGAAGTTCGGT
TACGACCCTAACAACTCCAATACCAAGTCCAAGTCTGTGGAGGATGCTCTCGATGACCGTGTCAAAAAGAAGG
CGGATCGTTATTGTAAATAATCAGGCATTGGCCATAGTGGAGAATTCCAGGGATTTGTTGTGAGAATGCTCAG
CAGATCATCATACTCCACTAAGCAACGGGTTAGCATCACACTTCTAAGATTTATTGGGTTTCATGGTATTGTT
ATCTATACTCATGGTCCCATGGAAGAAATTTATTATCTAGCTGATTGTAGTTACGTCCACCTGACCCCTGTCCA
ATGGGTAAAATTTGTACCAGCTAACATGAGAATATGGCATAATCTTTGTGCATAACCGATGGTTTATGGATAA
TTCTAACAACTCCGGAACCAAATAATTTAGCATGGATTGAAATATAAATCTTCTTGACTTATAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4033 AY818399|Manihot esculenta chloroplast latex aldolase-like protein mRNA, partial
cds; nuclear gene for chloroplast product

GTTGGTGAAGAAGCAAAAAAGATAAGATTTTTTTGAACCTTACCCTTCGTTTCTCAAGTCTGTGTTCAACCTCTT
CCTTCTTCTCAATTCAACTCTTCAATGGCTTCTGCTTCTGCTTCTTCTCAAATCCTCCCCTGTTCTCGATAAGT
TCGAGTGGGTAAAGGGCCAGTCCCTCCGCCAACCTCCGTCTCCGTGCTCCGCTGCCACCCACCGCCGCCCT

TCCACTCTCACCGTCCGCGCTGGCTCTTACATTGATGAGTTGGTCAAAACCGCCAAAACGTGGCGTCTCCAGG
ACGTGGAATTTTGGCTATGGATGAGTCAAATGCAACTTGTGAAAGCGTTTGGCTTCCATTGGATTAGAAAAC
ACAGAGGCTAACCGTCAAGCTTACCGAACTCTTCTCGTAACTGCACCCGAACTCGGCAAGTACATCTCAGGTG
CTATCTCTTTGAAGAGACTCTCTACCAATCCACCGTCGATGGCGAGAAGATAGTCGACGTTTTGGTCAAGCA
AGGCATTGTCCCTGGAATCAAAGTTGACAAGGGTTTGGTCCACTTCTGGTTCGAACAACGAATCGTGGTGC
CAAGGTCTCGACGGCCTTGCTTCTCGTGCCGCTGCTTACTACCAACAAGGCGCTCGTTTCGCCAAATGGCGCAC
AGTCGTGAGCATTCCCAACGGCCCATCAGCCCTTGCTGTCAAGGAAGCCGCTGGGGTCTTGCTCGCTACGCT
GCAGTCTCA

>trans_s_4034 NM_001053530|Oryza sativa Japonica Group Os02g0525900 (Os02g0525900)
mRNA, complete cds

ATCAAGAAAGATATGAAGTGACTTACTTCAAGCCATTCCCTGGGTATTACTTTACAGGCGATGGCTGCACCAG
GGATAAGGATGGATACTACTGGCTTACTGGAAGAGTTGATGATGTTATCAATGTCAGTGGGCATCGTATTGGC
ACTGCAGAAGTGGAATCTGCCCTGTTTCACATCCCAATGTGCAGAAGCTGCCGTAGTTGGTGTGAGCATG
AGGTCAAAGGACAAGGCATTTATGCATTTGTGACTCTAGTGGATGGTGTCTTATAGTGAAGAGCTCCGGAA
AAGCCTTATCCCACTGTTAGAAAGCAGATAGGAGCTTTTGAGCACCAGACAAAATCCATTGGGCACCTGGA
CTTCCAAAAACAAGGAGTGGAATAATGAGGAGGATTCTGAGGAAAATAGCCTCCAAGCAGTTGGACGA
ACTTGAGATACTAGCACGCTTGCCGACCCTGGTGTGGTCAATCAACTCATCGAGCTTGCTGATTGCTGAAGG
TGAGTACCATAGCAGGTGACACGAGTTTTTCTTGGAATTGAGTGAGAGCATGTGGATAAACTAGATGTTAA
ACATATATTTCCGAAGTTGCCCTGAGCAGAACCATTTTGTGTGTCCTGGCAAGTCCACAAAGTACTTAAATAA
TGTTGAATCCCTCCCCATTTTATAAATCTCAATATCAATCCTCATTACACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4035 AJ279687|Betula pendula mRNA for defender against apoptotic cell death (dad
gene)

ATTTATGAATGTAATGTATAAGTAATTAGGGCTGGGTTTTAATAAAAGGGTACAAAAGACTTTTCACCTTCCAT
TTCCTTAGGATTTTGACGTTTAGACGAGAAATCTTCATTTGTTCTTCTCGTTGCTTGAGATTACAGAGCTCCAT
ACTTCTCAGCCATGGCGAGATCCACGAGCAAGGACGCGCAAGCTCTTTTCCAATCGCTTTGTTGAGCTTATGCC
GCCACTCCAACAACTCTCAAGATCATTGATCTTTATGTGATTTATGCTGTGTTACCGCTCTGATCCAGGTAGCA
TACATAGCAATTGTAGGATCGTTCCCGTTCAACTCTTCTCTCAGGTGTTCTTCTGTATCGGGACAGCTGTC
CTTGCTGTTTGTCTCCGGATCCAAGTTAATAAAGAAAACAAGGAATTCAAGGATTTGGCACCCGAGCGAGCTT
TTGCAGATTTGCTCCTGTGCAACTTGGTTCTTCATTTGGTGATTATCAACTTCCTTGGTTAAATACCTCATTTTG
GGTCTACTTCTTTCTTGTTTCTTTGGAGAATTTATTTTCAGCCCAGGAAATAGCTTATGCTAGAAATCCCCA
TCAAAGTTAGCATTTTAGAAAGAGGAAAAGAGAAAATTTCTACATCTTAGTTAATGGCGTTCTGAGTTATTTT
CTACGGCATGTTTTCCAGTAAATCAAATACGTCAACAGTTTTCTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4036 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

GAGCATAATAGTAATCACTATTCTTAACAATAGGGCCCGGAGACTTCTTGGTTCATCATGCTATTGCTTTAGG
TTTACATACAACTACATTGATCTTAGTAAAAGGTGCTTTAGATGCACGTGGTTCCAAATTAATGCCGGATAAAA
AGGATTTTGGTTATAGTTTTCTTGCGACGGTCCGGGACGAGGTGGTACTTGTGATATTTGCGCTTGGGACGC
CTTTTATTTGGCAGTTTTCTGGATGTTAAATACCATTGGATGGGTACTTTTTATTGGCACTGGAAGCACATCAC
ATTATGGCAGGGTAACGTTTCACAATTAATGAATCTTCACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTAT

GGTTAAACTCTTCACAACTTATCAATGGATATAATCCTTTTGGTATGAATAGTTTATCAGTCTGGGCATGGATG
TTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGGCTTTATGTTCTTAATTTCTGGCGCGGATATTGGCAAGAATTG
ATTGAAACTTTAGCATGGGCTCACGAACGCACACCTTTGGCTAATTTGATTGATGGAGAGATAAACAGTGG
CTCTTTCCATTGTGCAAGCAAGATTAGTTGGATTAGCCACTTTTCTGTAGGTTATATATTTACTTATGCGGCTT
TCTTGATTGCCTCTACATCAGGCAAATTTGGTTAATTTTGTATGTGTTGTATCCGCGAAAATATGTAACTTTCA
GCCCCCT

>trans_s_4037 XM_002873548|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata emsy N terminus domain-
containing protein, mRNA

AAGTCCGCTTCCCTCCCAACCCAGAACGGGCTTCTCTCGTCTCGTTCATCGTTCACACACCTTCAATCTCTCTCA
CAAAGAAGAAAGAAAAAGCCTCAATCCCAATCTTAGATTCTGTGATATTCATAATCTTTTTCTAAAATTCTTT
CAATTACTGGCGACTGAACTTTTCAGAGCGGAGCGAGTCTTGATTCTCACTCGATCCATGTTTGCTCTGCAAAAT
TTAGCTTATTGGACTTCCATGGGTGGAGCTTGACCTTGGAGTTTCTGCCATATTCTGCAATTTTGCTTGTGGGT
TTCTTTGTTTTCTTGTTGGGTTTTGCCGCCTGTGTTCTTGTTGAATCCTGAGGAATTTACCGCGTTTTCTGAG
TTGGGTTTGTGTAAGTTGCTTTCCTTTCTGTTGTTCAATTGGGCTAGCGTTGAACTTCCATGGAGTATGAAC
CGTCTGATAGCAGTGGAAACAGATGATGACCTTCCTCCTCATCAAAGTAGATTTCAAAGAGGTGGGCTTCC
AGCAGGAAATGGAAGATCTGCACAGGTAAATCTTCTGCATTACCTAGGATGCTCGGTGATATGGAAATGCA
GATCCACCACATTGAGCAGGAAGCATATAGTTCAGTCCTGCGTGCTTTTAAAGCTCAATCGGATGCAATTACTT
GGGAGAAGGAGAGTTTAATAACAGAATTAAGAAAGGAGTTGAGAGTATCAGATGAAGAACACAGAGAACTT
TTATCTAGG

>trans_s_4038 AF026803|Onobrychis viciifolia histone H3 mRNA, complete cds

AGGCCATCAAGGTCTCACATATCCTTAACAATATTCAAATCTTGTTTCACAAGCTTCATCTCCAGAGCATCGATG
GCTCGTACCAAACAAACAGCCCGTAAATCTACTGGCGGCAAGGCTCCTCGGAAGCAATTGGCTACTAAGGCC
GCTCGAAAAGTCGGCTCCGGCGACTGGAGGAGTAAAGAAACCCACAGATTCAGGCCGGGGACAGTGGCACT
AAGAGAGATCCGAAAGTATCAGAAGAGCACGGAACCTTCTGATCCGAAAGCTTCCATTCCAAAGGCTAGTTAG
AGAAATCGCTCAGGATTTCAAGACTGATCTTCGGTTCCAAAGCAGCGCTGTTTCGGCACTGCAGGAAGCGGCA
GAGGCTTATCTTGTTGGGATTGTTTGAAGATACTAACCTGTGTGCGATTATGCTAAGAGAGTAACCATTATGC
CTAAAGACATTCAATTAGCCAGACGGATTAGAGGCGAGAGAGCTTAGAGATCTACTGATGAATCATCATTTTG
GCGTTTGATATGTAGAATCCTTGCGTAGTTCAATCTTGCTAGTTCTTACTTATTTTTCTGGATCTTTTTGTTCT
TAGAAATGCAATCGTGTGTTTATGGCAAGTTTGGTGTATGATTTAAATCTAATAGCTAATTTAATTTTTTACCAA
TATGTTCTTTGTTGATTTTATCTTAGAGTTTTTATTGAAAATATTTTGAATAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4039 XM_002889463|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L23, mRNA

GGGAGAGAAGCCAAAATCCATCGACAATGTGCAAGCGAGGAAGGGGAGGATCCGCTGGGAATAAGTTTCGT
ATGTCACTGGGTCTTCCAGTGGCTGCTACTGTCAACTGTGCAGACAACACGGGAGCTAAGAATCTCTACATCA
TTTCCGTGAAAGGGATCAAGGGTCGTCTTAATAGGTTACCATCCGCATGTGTTGGTGATATGGTTATGGCTAC
TGTCAAGAAAGGCAAGCCTGATCTCAGGAAGAAGGTCTTGCTGCTGTTATTGTTAGGCAGCGCAAGCCATG
GCGCCGAAAGGATGGCGTCTTCATGTATTTCAAGATAATGCTGGTGTTATCGTCAATCCCAAGGGCGAAATG
AAAGGTTTCAGCAATTACTGGCCCCATCGGAAAGGAATGTGCTGATCTCTGGCCGAGGATTGCAAGTGCAGCG
AATGCCATCGCGTGAGAGTCAAAGCCATTATAGTGTGTCATGCAATGTTTTAGATTTTCTTCTAGTCTTCTTTTGGT
TGGGTTTGCTCTGCTTTGTTAGACACTGATGCAGGCTCATTTTTTGTGTTTCTTAATCTTACTGGATAGCTCAA
GTTTAAATTGGTGTGTCATTTTCTCCTTTCTGTTTCATCAACTCTTGCAGTTTTTGCTATAGATACGAAGGATG

CATGTTTTATAACGTTAATATTTGAAGAAGCATTAGAAAGTTCCTGTCGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4040 AY143955|Arabidopsis thaliana At2g28370/T1B3.11 mRNA, complete cds

CCCTTTCACGGAGCTTACTCGCGTTCTTACCAGAAGTGGCGACAATGGAGAAGATGACGGCTTCATGGACTTA
GGATCTTCCCTTCGCTCATCGATTGCAAAGAATCTTTGGCCTTCCCAACGGATAAGCTAAACTTCACCATCTTCC
TCCCTCTGTTGTTCTTGGCTCGCTGCGACCGATTAGGGTTCTGAATTATGGAGTGAATGTAAACAACCTTTTT
GTTTAATCCCACTGATTGAGCTCTTGGATCGCTGCACAACGCGATGAACGTGAGCCGGCCTTCGGTGCATCCG
GTGGAGGCGCCACCACTTACGGAAGGAGCGGTACACAATGGGCCGAGAGTGAGAATGAAGGATGTACAGG
GCATGCCTGGAACACTAGGTGGACTTGCTCTTCGTCTTCTTCAGTTCGTATTTGCTACGGTTTCTCTCTGTGTTA
TGTCTACCACCAAGTGATTTCCCTTCCGTACGGCGTTTCGATATCTTGTTGCTGCTGTTGGCTTGCAATGCTTGT
GGAGCTTTTCATTAGCAGTAGTTGATGCATATGCCTTGTTAGTCAGACGAAGCTTGCGGAAGTGTCAATAGT
TGGTTTGTTACCCCTTGGTGATGCAGTTACGTCCACCCTTACATTTTCTGCTGCGTGTTTCATCAGCAGGGATTAC
TGTTCTCATAGGCAATGACCTTAACAAGTGTTGGTGTGAACCACTGTGCACAGTTTGAGTCTGCCACTGCAATG
GCTTTCATTAGC

>trans_s_4041 AC068655|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F17K4 From
Chromosome V, complete sequence

AGGATTGCAACCTCTGGGACCTGGCATCACACATTCACAAGAAAACCTGCAAATTTGTGCTCCAAATACTTACA
ACAGCGAAGATGATGGAGCACGACCTCCAATTTTCCAAATCTATAACAATCACATAAATCAAACCTTTTCTCTCAA
CAGCCTGATTACACTGAGGAAGAGTGTTCTTTTCTGCCACAATCTCCAGTTTACTTCACTCCAGCACCAAGCCA
GCATGGATATGATTGCTTCCTTCTTCGAGTTACGCAGCAGAGACTGGGGGGTGTAGCATTTTCCCTTATCCGG
ATCTCGGGGCCAATATCTTAAATGGAGCAGATTAAGTTTCAAGTTGTTCTATGAAAGTATATCAGTTGGATCTT
CAAACCAGAAAGGCTAAGCCATTCCAATTGAGATACCATCTCGCTGTGCTTGGTTCTGGAAGTGTCTATTTGTG
GTCTTAACGTCAAGTTACTACACACCCAAGGAGAAAAGTTTCTGCTAAATTTGCAGGTGCTTAATCTGTTTAAG
ATTTTTTCTTTCTTTCTTTTGGTAGATACCTCTCATGTGTTTCCCTGCAATTTTTTTGCTTTCCTTGGGGCCAA
TGTGTAGCAACTACCAAATAGTCTTTGTAAAGAGTCTGTCTTCCTCGTTTTTATCTTTGTTTCAGCTCTGCAAG
TTGTAATTGTTGTTAACTTACAATCAATTAGAAAGGAAAAAATTTTCTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4042 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate
carboxylase/oxygenase, complete cds

CCGCTGTTGCCTCTGTCAACAGTGCTTCCCCTGCTCAAGCTAGCATTGTGGCACCATTCACTGGCCTCAAATCC
GCCGCTGCTTTCCCGTCACTCGCAAGAACAACGACATCACCACCTTGGCTAGCAATGGTGGAAGAGTTCAGT
GCATGAAGGTGTGGCCACCACTTGGATTGAAGAAGTTCGAGACTCTTCTTACCTTCCTGATATGAGTAACGA
GCAATTGGGAAAGGAAGTTGACTACCTTCTCAGGAAGGGATGGATTCCCTGCATTGAATTCGACATTCACAGT
GGATTGTTTTACCGTGAGAACCACAGGTCACCAGGATACTACGATGGACGCTACTGGACCATGTGGAAGCTG
CCCATACCCAAGTGCACCGATTCTCAGGTGGTTAACGAGATTGAGGAGGCCAAGAAGGAATACCCCGAC
GCATACATCAGGGTTATTGGCTTTGACAACGTCCGTCAAGTGCAGTGCATCAGTTTCATCGCCTACAAGCCCCC
AAGATTCTACACATCTCCTTAAATTCCATATGCTGCGGCTTTCTTGAGGCGAATTTCAACCATTTGCCTTTTTTA
AAGCTTCATCACTTGGGTGGTTTCAACCAAATTTCCCTCCTTTAATTTTTTTCTTTACTCTTTTTTTCTTATTTTTC
CATTTTACGGGGGTTGGGTGAGTGTGAATTTTGTGCGACGTGCCGGCCGGGGGACGGACTGGGAACGGCTCC
TTTGGGGGCCTT

>trans_s_4043 EU676041|Zea mays cultivar H21 SnRK2.10 mRNA, complete cds

ACTTGAAGTTGGAGAACACTTTACTAGATGGAAGTCCAGCCCCCTCGTTTGAAGATATGTGACTTTGGCTACTCA
AAGTCATCTGTGCTCCATTACAAACCAAAGTCAACAGTCGGAACACCTGCATACATTGCTCCAGAAGTGCTATT
AAGGCAAGAATATGATGGCAAGATTGCAGATGTGTGGTCATGTGGAGTGACCCTCTACGTAATGCTTGTTGG
AGCCTATCCTTTTGAGGATCCTGATGAACCAAAGGATTTCCGAAAGACAATACAAAGAATCCTAGGCGTCCAG
TATTCCATTCTGATTGTGTTCAAATATCTCTCGAGTGTGCCACCTGATATCAAGAATTTTTGAGGCAGATCCT
GCAACGAGAATCACTATTCCCGAGATTAAGAACCATTCTGGTTTTTGAAGAATCTCCCATCGGACTTGATGGA
TGAAAACACAATGGGAAATCAATTTGAAGAGCCTGATCAACCAATGCAGAGCCTCGATGCAATAATGCAGAT
AATCGCTGAGGCCACAATACCAGCAGTTGGTTCACATGGCCTTATGTGCATGACAGATAACCTTGACATGGAC
GACGACGACGACATGGATGATCTGGATGACGAGTCTGAGCTTGATATAGAAAGCAGCGGTGAGGCGACGTA
TGCAATTTTGACATTGATATTGAGGTGCAGAAACGACAAAAATTATGGGACTTTTCTTTGGGACTGGNTCTG
ACTTTCAAAGAATTTG

>trans_s_4044 NM_001067832|Oryza sativa Japonica Group Os08g0230200 (Os08g0230200)
mRNA, complete cds

TGAACTCATCTGGGGCACCTAAAAAACGTCTGGTCCATTGGAATCAATGGGTTCAATGAAAATAAATGGCCC
ATCAATAGCACAAAATCCTGCAGTTACTACACTTAGCCCAGATGATGAATATTCTTTTGAAAAAGCTTTCCGA
AATTAATATCGTGGTCTGTTATTCTCATATTTGTCATGGGGCTCATTGCTGGTAGTTTTATTCTTGCTGCAGTCC
ACAATCCTGTTCTTCTCATTGTTATTGTTCTACTCTTTGGAGTAGTTGCTGCAATACTTACTTGGAACAGCTGTT
ATGGAAAGAGAGCTCTTATTGGTTTCATTGCTCAGTATCCTGATGCTGAACTCCGAACTGCAAAAAATGGGCA
ATATGTCAAAGTCTCTGGGGTTGTTACATGTGGCAATGTGCCCTTGAATCATCCTTCCGTAAGGTTCTAGAT
GCGTCTATACATCTACTAGTCTATATGAGTATCGAGGGTGGGGCTCAAACCAGCTAATCCTGGACATCGTCG
ATTTACATGGGGACTGAGATCATCAGAGAGACATGTGGTTCGACTTTTACATCTCTGATTCCAGTCCGGATTGA
GAGCATTAGTTAAGACAGGCTATGGTGCTAGAGTGACTCCATATGTTGACGACTCTTTGTTGTTGATGTTAAT
CCATCAACAAAGACTTATCGCCGGAGTTTGTTGATGGCTAGGAAGGAGGAATCTTTCNAGCGATGATCGT
GTAATGCGAT

>trans_s_4045 NM_118589|Arabidopsis thaliana UBP16 (UBIQUITIN-SPECIFIC PROTEASE 16);
ubiquitin thiolesterase/ ubiquitin-specific protease/ zinc ion binding (UBP16) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAACGTTTCCCTTCTACAACCTACCCATTACTCATTACATTGCTACACTGTCTGC
TAGGGTCAGAGTGCAACCAAACACCATCTTTACCCTCCATCAAACATGCGGTTTTCTCCCTACCGTTACATTCTC
GCCTACTTGACAGATTACTGATCCCATTTGTATAATTGGGTTGAGGTTGCTCAGTTGTTTTAGCACCACTGCTC
CACATTGCCTCGAATCACCCGGATGCAAAAGTGGGGAGGATGAAGACGATGATGGTAAAGAAGCATCTACAT
CAGAAGGAGTTTGCAACCATTTCAACCGCATCCAGAATCGCTGCTGTAAAAGTACTCGGGTAAGTCATCAGT
GCTCGTAGAGTCACTGCTGCTGTTGGTACCACATGAACTTTCATCAGAGTGGCTACTGAAAAGTGAGGAGCTA
TCGCTCGTTAAGTCCTCTTCAAAGCTTCTTAAGCTGGTGGAATTTCCGATAAAACGAACTGATATTTGAAGG
ATCATTTGATGAATTGTTGTTTCATATGTTGGTTCTGGGAATCAGGATATGTGGAGTTGGAAGTTGATTTAGATG
AGCTACTCGTTCCATTTATCAAAGATGGAATGCATCTGTTTCTGGAATCAGTCGTAATTTTGTTTCTTATCAACC
TTGGGGCCCTAGGTGAGCATCTTGCATAAAAGAGCATGTATGCCCTCTTGTTAGTACATTTTGGACATCCATA
GCTG

>trans_s_4046 AF517549|Arabidopsis thaliana cadmium induced protein Cdi19 mRNA, complete
cds

AGTTACAAACCCCAATTTCCATACGCTTTACGCTTCTTTTCTTCTTCGTCAATTCAATTCTACGTTTTCTGTTTT
CATTTTTGCTGTTCTTTTCGTTTTAGAAAAGTCCTGAAGCTCCTAAGAATGACGGGGAGAAGAAGCCCACCG
ATGCCGGTCAGAAGAAAGACGATGGTGCAGTCACTGCCGTTTTTAAGATCGATATGCATTGTGACGGTTGTGC
TAAGAAAGTTAAACGAGTTGTGAAGCATTGGATGGTGTGAGTGACGTGAAAGCGGATCCTTCATCCAATAA
ACTACCGTTACCGGTAAAGTAGACCCTGCCGTAATCAAACGAACTGGAGCAGAAGACGAAAAAGAAAAT
CGAAATCGTCTCTCCTCAGCCTAAGAAAGAGGGTGGTGGCAATAAGAAACCGGACGAAAAACCGAGAAGA
AGACCGACGAAAAAGCAGAGAAAAAGACCGATGAAAAAGGAGAGAAGAAAGCCGACGGAAAGTCAGAAAA
GAAATCTGGCGAAAAAGCCGAGAAGAAGCCTGAAGGAAAAAAGTCCGAAGACAAAAAGCAAAAGAGAGC
ACTGTGGTTTTAAAGATGCGATTACATTGCGAAGGTTGCATTCAAAGATCAGGAAGGCACTCATCAAATTCA
AAGGAGTCAATGAGATTTAGTAGACGCTCAGAAAGATTTGATTACAGTAAAAGGCACCATAGAAGGAAAAA
ACCTTCAAAGCTACCTCAAAGACA

>trans_s_4047 NM_117048|Arabidopsis thaliana RPS18C (S18 RIBOSOMAL PROTEIN); RNA binding
/ nucleic acid binding / structural constituent of ribosome (RPS18C) mRNA, complete cds

GGGGGTAAGTCGTCCGTTTTCGTTGCAGCCTCTTAGCCAAGGAGAAGAAGCATCAGGACGAAGACGCTCAACC
TCTACTCTCAACAATGTCGTTGGTAGCGAACGAAGATTTCCAGCACATTTTGCCTGTGCTCAACACAAACGTTG
ATGGGAAACAGAAGATCATGTTGCTCTTACTTCCATCAAAGGTATTGGAAGGCGTTTTGCCAACATTGTCTG
CAAAAAAGCCGACGTCGACATGAACAAGAGAGCTGGTGAATTAAGTCTGCCGAGCTGGACAATCTCATGGT
GGTTGTTGCCAACCCCGACAGTTCAAATCCCGATTGGTTTTTGAACAGACAGAAGGATTACAAGGATGGA
AAGTATTCACAGGTTGTGTCTAATGCTCTTGACATGAAGCTGAGAGACGACTTGGAGCGTTTTGAAGAAGATCA
GGAACCACTGGTCTGAGGCATTACTGGGGTCTTCGTGTCCGTGGTCAGCACACCAAGACTACTGGTCGCCG
AGGGAAGACTGTTGGTGTCTAAGAAGCGTTAAACAATGTCTGTTTTATTTGCTTGACAAGCAAATTTTCA
GCAAATTTTCTGTTGGATGCAATATTTAGATTAATGGAATTAGTTGTTGAGATTCGGTTAGAACTTTTTGG
ATTTGGCTGTGGGGTTCCTAAGCCTCTCTGCGGTTATATTCACATCGATGATTCATTTTTGCTCCTTTATA
TAGAGATTGAAAT

>trans_s_4048 EF415877|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 022BT24M13-582.0 mRNA
sequence

GGTGCAGAAAAAGATCAAACAAAAAAATGCTGAGTGAACTCATTGATGAGACTGAGATTCAGGCGCCGGCC
GCCAAAGTTTGGGAGATTTATGGCACCGTTGAGTTTGAAACTTCCTTCTACATCACGTCCCTCATGTCGTTCA
GAAAATCGAGTTCCTCGAAGGCAATGGCGGCGAAGGAACTCTTCTATGTCACTTTTGCTCCTGGTTTAGGT
GGTGTGAGATACAAAGAGAAGTTTACAAAGGTGGATAATGAGAATCGTATAAAAATAGCAGAAATGGTGGA
AGGAGGTTATTTGGATCTTGGCTTTACTCTTTACAGGTTTCGTTTTGAGATTATTGAGAAAAATGAAGAGAGTT
GCATAGTAAAATCAAGTGTCCAATATGAGTTAAAGGAAGAAGCGGCTTCAAATGCTTCACTTGCAACTGTTCA
ACCTTTGAAAGAGGTTGCTCAAGCTGTCAACAATACTTCTCAATAAGTCAACAGCCTAGAAGATGATGCAT
AATCCATTGATGTGATAACCATCCATATGTTTTGAATGGACTTCTTTTAGTGTTGTTAGAAATAAGCTAAGTC
GTTGTTTGTGATTTAGCAACCACTTAGTACTTTTTCTGTAATGGGTTTGAGAAAGTTGTTGTCATGTTTAGT
AACCCCTAAAAGGACTTTTTATGTAATGGGTTTGAGGAAATAAGTTTCTTTTTTTTTTTATGAATAAGAAT
GACCCATTTTGC

>trans_s_4049 XM_002316814|Populus trichocarpa Sec61 transport protein, mRNA

ATTCTCCGAATTCAACCAATCCTTACGATTTTCCGTCTCTTTGACTCTTCTCTTGCTGCGACACGATAATTGA
CTATAAGGAAGATGGGAGGTGGGTTTAGAGTCCTTCATCTGGTCAGGCCATTCTTTCTGTTTCTCCCTGAGGT
GCAGAGTGCCGATCGGAAAAATCCATTCAGAGAGAAGGTCATTTATACTGTCATCGCACTCTTCATCTTCTTGG

TATGCAGCCAGCTTCCTCTGTACGGGATTCACTCCACCACGGGCGCAGATCCGTTTTATTGGATGCGTGTTATC
CTAGCTTCCAATCGTGGTACCGTCATGGAGCTTGGGATCACCCCATCGTCACATCTGGGATGGTGATGCAAC
TCCTCGTTGGATCCAAGATTATTGAAGTCGACAACAATGTGCATTGGTGCACTGACCGTGTTGGCTGATTCAT
GGGAGCAATAGTTCTGGAAGTGAATTTTGCTTGCACTGACAATTATTTATCAGTACTTCGAGACCTTCGAG
AAGGAGAAAGTCAGCGAATTGGGTCTGTTTGGTTTCTAAATTTTTCAATTCGGTTTAAGTTATAAACTTTTG
TGGTACCAAAGAGCTCCCTGTCAATTTGGTGCCTTGGGATTTTACAAGCCTCTAATTGTATGAATATTTAG
ATTAGAAACGTTACAAGTTTGAAGTAAAGTATAAAATTGATATATTTTAGCGGANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAA

>trans_s_4050 XM_002868973|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription factor, mRNA

TAGCTAAAGCCATTGAAGGCCTAATCCCCTTACCATCAGTCATTCCAAATGATGCCATAAGGGAAGAGCTTGA
AGCAATGGAGATCCAGAAAGCTGCAATCGACAAACGAGCCGAAGCACTCACACGACGAGAGCTCTGGTGTG
GGTTGGGCTTCCTAGTGGCTCAAACAGCTGCATTATGAGGCTCACCTTCTGGGAGCTCACTGGGATGTCAT
GGAACCAATTTGCTTCTATGTACCTCAGGTTACTTCATTGCTGGTTATACATTCTTCTCAAGACCTCGAAAGA
ACCATCATTTGAAGGCTTCTTCAAAGCCGGTTTAGCACAAAGCAGAAGCGACTGATGAAGCTTCAGAATTC
GATATCGCTCGTTACAACAACTCCGAAGAGCCTGTTTTCAAACCTCCTCAGCTCCAGAACTTCCTTCTTCTCA
GATTCTATGGTGTATGATAATTCAACAAAGATGCAGTTGGAATCTATACATCATTAAAAAGAAAATTACAAA
CAGCTTTAAAATAAAGAAAAGTATACGTAGTGTGCGATGTTAAGCTGTTCTTTTTCTTCACTGCTACCTTCTA
TAACTTTCATTAGGTCCGGCGGCAGCTTGTAAAACAGAGTACATAGAATTATCATTCACTCTTCTAACAAAAA
AACTGAATCCTTTTTCTTTCTTATTTAATACAAGTTAAAAATTAGGTTGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAA

>trans_s_4051 XM_002877899|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S21, mRNA

AGTCTTAAGAATCATAGGGTTTCTTCAGCACGCCTCTTCTCCCTTTCGGATAGTTCGTTTCCTCTGTTGTGCTT
GCGGGTTGATTCACTTATCAAGATGCAGAACGAAGAGGGTAAATTACAGAGCTTTATATCCCAGAAAATGC
TCCGCAACGAATCGGCTGATTACTTCCAAGGACCATGCTTCTGTTTCAAGTCAACATTGGGCATTTGGATGAGA
ATGGCATCTACACTGGGCAATTTTCTACTTTTGTCTCTGCGGTTTCATTGCGGCCAGGGAGATGCTGACAGT
GCACTGGATCGTCTCTGGCAAAAGAAGAAAGTCGAAGTGCCTCAACAATAGATGATTGTGTCTTCTGGTTCA
TCTCTATATCAAAGTTTTCAAGTATAGAGATACAGTTCTAAGATTTTTGAACCACTCGCAGTTAAGTAGTTTCT
TTCGACAATTTAACTCGTTAGTTCCTTTAAATGCGAACTCACTTCATTGAGGTTGGACAAGCTCTGATGAGT
CAAAAGAGGACCAAACTAAGTTGAATGAAATACGTTGAAGTTACATTTTCCATTAAAAATATTTAGTAGAGC
CTCTTTCAATTCTGAGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCGCCCCTCAAAATTTTATCAAACC
CCTCAACCCAG

>trans_s_4052 X52558|Pea cap mRNA for carbonic anhydrase (EC 4.2.1.1)

CTTGCTCTGATTCAAGAGTGTGCCCATCACATGTTCTTGATTTCAAACCTGGGGAGGCTTTTGTGGTCAGAAAT
GTTGCCAATTTGGTTCCTCCATATGATCAGGACAAATACTCAGGAAGTGGATCTGCCATTGAATATGCTGTTCT
TCATCTCAAGGTGCAATACATTGTTGTGATTGGTCACAGTGCTTGTGGTGGTTGTAAGGGGCTTATGACCTTCC
CATATGATGGAAAGTACTCAACTGATTTCAATTGAAGAATGGGTGAAAGTTGGTTTGCCTGCTAAGGCCAAGGT
CAATTACGCCCATGGTGGTGCAGAACTTGGGGAACTTGTACACACTGTGAAAAGGAAGCAGTTGCTGTATCA
CTTGGGAATCTGCTAACCTATCCATTTGTTAGGGATGGTTTGGTGAATGGAACCTTGGACTTAAGGGTGGTC
ACTACGACTTCATTAACGGAACTTTCGAGCTCTGGGACTCGAATTCAACGTTACTAAGCCTTTGTCTGTATGA
ACTCCAACCTATTACCGCGGATCGATCTGGTTTTTCTCACTGATTTTCTTCATATGATGTACTTTATTTGTGTAAT

CGTCTTTTCTAGTATATAAATTGACAATAAATATGAGATGGAGTTCATTGAACTCCGGTTCTAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_4053 AJ309196|Oryza sativa snoRNA gene cluster III (Z103a, Z103b, Z103c, Z103d)

ACTCACCAACAATCGTCTTCTTCCTTCGGTTCATCTCCACTCTATAATTGTATGGTTTGGTTCATAACAGGTAA
CCCTTTGTCTCTTCTTCGTAGTGGTTTTAATAGCGTCGAATACTGATTACGAGCATCCGTGAGACTTTGTTTCA
CAATCGGATGCTTCGTATGAGCCGACGCGATATCTGTTCCGATTCTGTGAACCGCAGAGGCTTTTGTGGCTTCC
TTACGAAGCTAGCCGCTGAATTGCAGTTTTGGACAAATTAGATTCCACTACTTGTTTATATAGTTTTAAGTTTGC
TATGTTTTTGCATTGTGTGAAGTGTATGATTTTCAATTGAAGATGGAAGTGTGACACTTTCCCAAATGATCG
ACGCTGATTATACTATGCTGGTGTGTGTTTATCACGCTTTTGTCTGATCCATCTTTATTTACCTAGATTGCATTGC
TTTTTTTTTCTTCTCTATTTACAATCTTTTACTAATAATTGGAGTTAGCTTAAGATGTGTCTTTGTATTGAGTT
GGAACGAAGTTGGATGTGATGATACTTTCCCAAATGATCGACGCTGATTATACTATGCTGGTGTGTGTTTATC
ACGCTTTTGTCTGATCCACCTTTCTTTACCTAGATTGAATTGGTTTTTTTCTCCACTTACAGTTTTTTTACTGAT
AATTGAAGTTAGCTTAAGATGTGTTTTTGTATTGAGTTGGAATGAAGTGGATGTGATGATACTTTCCCC

>trans_s_4054 FJ903176|Nicotiana tabacum cultivar Xanthi type 2 histone deacetylase c (HD2c)
mRNA, complete cds

CTCTCTATATTGTGTCTTAAACAGTTCAATCCTTCATTCTTTCTCCTAAATATTTCTAAAACCCTAACTTTTCTTC
CTTCGCTATCAATGGAGTTTTGGGGTGTGAAGTTAAGCCTGGTCAAGCACTCTCTGTGCAGCCTGGAGACAT
GAACTATGTGCATCTATCACAGGCGACTCTAGGTGATTTGAAGAAGGACAAAGCAAATGACCCCGTGACTATT
TTTTGAAAATTGATGACCAGAAGCTTGTTCTGGGAGTTCTCTCTGCCGACAAGTTCCCTCAGATATCATTTGA
TCTCGTGTGTTGAGAAGGAATTTGAGCTCTCTACAATGGAAAGGGTGAAGTATTTACTGTTTGGGATACCGG
GCTCCCATGGAGGACCAAGGACAGGAAGAGTATTCTGATTCTGATTTTGGCTCAGAGGATGAGGAACTTGGA
TTGCTATCCGCTGAGAATGGAAAACCTAGCGACAAGGAGAAGTCTATTGGTGGAAAAATTTTGGTCTGAAAC
CGGAATCTTCAAAGAAAGCAGATGCTAAGTCTATTGAGCCGAGCAAGGAAGAAGATGATGACTCCGAAGATG
ATGACTCCTCTGATGAGGGTCCGATTCCGATGAGTCTGATGAGGAAATGCTTGAGGGGGACAGTGAAGTCTG
ACGATGAAGATGAGGGTACTGACAGTGAGGAGGAGACACCGAAAAAGGTTAATGAATCCTCCAAGAAGAGG
TCAAACGAGTCTGCCT

>trans_s_4055 BT025018|Arabidopsis thaliana At1g49245 mRNA, complete cds

AAAGCAATCGAATCGCGGGTGAGATCAGTCGGCAAATGGCTGCCGACGGTGGTTTTAGCACGGCGGCGTTCC
CGTCGATTACAAAGGAAGAACAGAACTGGAAATTACAAAACAGATGAGAAGTCTTGAGGTCGCCATTGCAG
AGCTCAATCATCTTCTCTACCAGAGCTGTCTATCAGAAAAACGGAAACCTATTTTTTCGAACAACTGTTCAA
AAGCAACTACTTCGGAACAGAAAAAAGTGTGCGGCTAAAGCAAGGCTTGAAAGACTGAATTCTTGATTCTG
GACCTCCAACAAGGGAGTATTTTCTAAGTGCTTCAAAAAGCGTTTTTAATTGAACTCAGGAGCAAAGGGTT
ATTAGAGGTTCAAATCTTTTTAGTAAATCTTTTTGCTAAAACCTTTTCACTTTGATCACTGCCTATTCTGTC
TATAAATGTGTAATGCTATACTACTTATTTTGTGCCTTAGAATCTATGCACTATTTTGAACAATTTGAAGTGAT
AATTCATCTAAGACGAAAATAAATCTCCATTGACCAAAGTAGATTGATGTTCAAATTTCCACTTTCTGGCTAG
GTGGTCACTTGGTAGAGTTGTTGATAACATTAATGCTCTACCTGAATCTTACAAAGTGAATTAGTGTCATAT
CTTTGTTGGATATTTTATCATTTGATTAATTTGAACTTTAAATTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_4056 AB378627|Lotus japonicus HDZ-M48 mRNA for transcription factor Homeobox, complete cds

TAGAAAACCAAAGCCACCTGAAGAAATCCATTGATTGAAAAAAGCCAAAAAGAAACAGAGTCGTGTCCCCTT
GCCGGAATCGAATCTCCGGCAGCCTCTGTTTCCTCTACCGATCGAATCGCCCTTCTTGTTCTGGCCCTCTATC
GCCGGAATACCAACCGATCCTTATCGGAAATTAGCTGTGAACCAAAAATTAGAAGGCATGGTGGGATTTTTTC
GCGATTCCGCTGGAAATTCAGCTAGGTTACTGTGGACTACCAGCTTCTTCCGCCATAAGCGATCTTGATCTTC
TTTTCTTTTACTTAATTTCTTTTCCTTCTCGAGATTACTGTTCTTGTTTTAGGTTAGTACTAAATCTTCGCCTTG
CATAAATTTGAAATTCCTTACAAATTTACCTCTGAGGCGCTGGGATTGAAAAAAGGAGTAGGAGATTGGAAT
GGAATCTGGTCGGTCTTGTTAATCCGCCACCTTATGGCGGGAACATGCTTTACCTTGGTGGAGCCGGCGGC
GATCCTTGTCTGCGAGGAGGAAGAACAATGATGAGCATGAGCATGAATGAAAGTCCAAAAGGGAGGCCATT
TTTAGATCCCCGATGATCTTTACGATGATGAATATTATGGATGAGTTTTACCCGAGAAGAAGCGTCGTCTC
ACCCACGACCAGGTCAAATGCTGGAGAAGAAGCTTGGAGGAAGAGAACAACCTGGAGCCAGAGAGGAAATC
CCAACCTGGCCAAG

>trans_s_4057 BT004535|Arabidopsis thaliana At1g07990/T6D22_5 gene, complete cds

GCTCAGGCTTGGTGATGATCAAGGAAGTCTATTCACCAACTCCAATTGGTTCGCATTCCAAGACGACAGAGTT
AGTAGTGAAGCTGCAGGCACAGCACCACCTGAGAGGATGGATGAGATTAATCTGAATGGATCTTCCAACGGT
GGTAACAGCAGTAGTGATGATGAGGTGGTGATTGGCGAGGAGGAGATGACTGTGAGCAAGAATTCTGTGAT
TGACACTTCTGTTCCAAGTCCGGGCTTCTAGTAGATTTTCTGAGGCTGAACCTGCTGGTGATGGCATCTCGA
ACTCTGGGTGCGAGTGATCTAACGATTTGGGATTCTTCAGGTTTGAGACACCAGATGCAGAGGACGCATATGG
AGACAGGCCTCTGCCCCACTGGGTAGGATGGGGAGAAGCATCAGATTTGCAAGTTGGGGGCTCAAGTATGA
ACCCGTTTGAGGACAGTGATAAATCTGATATCAATGATTCCTCTCAAATTGAATTAGCAGCTCCTAATGTCAAC
TCTCCAACAAGAGAAGCCTTTCTTCAAATGGCTCTCAAACAGGATCAAGCGATGGATCAGAGGGCA
GTGATCATAGTCAGAAAACCTACAGCTGTACCCTCATTATTTGAAGAGGATGTTGAGTTCGTTGGTGTGGAATT
AGAAGGCACTGAAAAGGCTATGGAGCAGGCCCTCAAGGAGGGGATTGTTGGGGAAGCAGGTCCACTGAAG
AGGAGCGTTGTCCCTAAGGTGC

>trans_s_4058 AB363001|Nicotiana tabacum NtH2B2 mRNA for histone H2B, complete cds

ATCTTCCTAAACGAAAATCCCTCTTCTCGAATTCAAATCTGTAGACTTGTTCAATTGAAATGGCTCCAAAGGCA
GAGAAGAAGCCCGCCGAGAAGAAACCAGCGGAGAAGGCTCCAGCTGGTGAGAAGAAGCCTCGAGCAGAGA
AAAAGATTCCGAAAGATGCTTCGTCGTGAGATAAGAAGAAGAAGAGGATGAAGAAGAGCGTTGAGACCTAC
AAGATTTACATCTTCAAGGTCTTGAAGCAGGTCCATCCCGATATCGGAATCTCTAGCAAGGCCATGGGGATTA
TGAATAGTTTTTATTAATGATATTTTTGAGAAGCTTGCTCAGGAATCGTCGCGATTGGCTAGGTATAACAAGAA
GCCGACTATCACCTCTAGGGAAATCAAACGGCTGTTGACTTGTGCTTCCCGGTGAACTTGCGAAGCATGCT
GTGTCCGAAGGGACGAAAGCGGTTACCAAATTCACCAGTTCTTAGAAATTTGATCGTATCTGTTAGTGTTTAA
AAATTAGCTTCGATATTGTTTGATGATATAGATTGCGATTGTTTTGTCCGGCTTAGTATGAAACGGAAATTCT
TCGTTTGAAGTTGATGCAATATTTTCGTATAATTGTAGATCAGTGATCAAAAAGTGTTCAAATTTGACCTTCC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTTGCATAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4059 NM_001069092|Oryza sativa Japonica Group Os09g0103600 (Os09g0103600)
mRNA, complete cds

GTTCTTTCCCCCACTCGTATGATTCATTCGCCATCCTCTCCTCGTCCGGCGTCAGAATTAGGGTTTCGATCAA
TCAATATCCTCCGACACGGATTTTCGCTGTTTTATAGCTGGTAGTTATGGCTAATCGGACAGACCCAGCTGCGAA
AAGCATTAGGGGAACGAACCCGAGAACCTAGTGAGAAAGATTCTTCGCTCCAAGATTACCAGAACACTTAC
TGGAAGGAACAATGTTTTGGGTAAACGGCGGAGACATTGGTTGATAAAGCCATGGAGCTCGACCACCTCGGC
GGTACATATGGTGGCAACCGCAAGCCACGCCGTTTCATGTGTCTTGTCATGAAGATGCTCCAGATTCAGCCGG
AGAAGAAAGAAAAGAAGGAGAAAAAGGAAGGTGGGGCAGGTGAGGAAGATCCAGAGATTGCTGAATGGA
ATAGGATTCGAGCTTCTCTTGGACTGGCACCTCTCAAGTAGATGGTTTTCTCTTCTCAGTTTCAATGATATGTG
AGTGAATTCTGTTTCATAAAGTATTGAAGTTAAAGCTTGTTATTCATAAAGTTTTGAGTTTGAGGCTTTTATG
GTTCTGATTTCTGTATAATATTAGTTTGCTGCTATGCTATTGCAATGTTGAATGATAGTATAAAATCATATTTGG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4060 XM_002886057|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

TTTTTTTTTCGATGTTTTTCTGGGATAGAGTCAGTGTTAGGTTTTTTTTTTCTTTCCCCCACCCCCCTTTTTT
CGAGCTATCTTTTGCTGATCGATCTGCGTTAAACGGATATGGGTGCCGACGGTGATTCCAGCGAGCACCGAGT
TGATGCCGATGCTGAAGAAGGAGGAGTCAGTGTTACAGTTAACATTCGATGTTCTAATGGGTGCAAATTTCC
GTGACGACGAGTCTGGACTCTACAGTTGCAACATTCAAATCAATTCTTGCTCAAAATTGTGATATTCCAGCTGA
TCAGCAGCGCTTGATCTACAAGGGTCGCATCTTAAAGGACGATCAGACCTTAGTTAGTTATGGTTTACAGGCA
GATCACACTATTACATGGTTTCGTGGTTTTGCCCAAGCTTCATCAACACCTTCTGCACCTGCTTCTAACGTTAAT
ACTAGAAGTTCTGACACTGCTCCTGGAGTCACAAGAGGTGTTGGTTCTAATGAGAGTGGTGCTTTTGGAAATG
GTGGCCTTGGTGCGTCATTATTTCTGGACTGGGTTTCAATCCTCTTGGTGGAGGTGGAGCTGGACTTCTGA
GTTTGAGCAAGTGCAACAACAGTTGACTCAGAATCCAAACATGATGAGGGAAATAATGAACATGCCCCGAAT
ACAGAATTTGATGAATAACCCTGACTTGATGCGAACCTTAATTATGAGCAATCCTCAGATGCGGGATATTATTG
ACAGGAACC

>trans_s_4061 AY093719|Arabidopsis thaliana At1g32920/F9L11_25 mRNA, complete cds

GGCATCAATTTCTCACCAACAACCTCTCTCAATTCAACAATTTCAATCAACATGAATTCCATGTTTCAGTTTATTC
GACGCCTTCGCCGCCGAATTCCTCCTCGGCAATAATTCGTTAGAGCTTCTCCTCTATTCTTCTTCACTCCCA
ACAACAACAACAACAACGCCGCCTCTTCGCCGTTCCGAAGCCGCTGCCTAGTAAGAAGAAAGAAAGAAC
CGAAACCCAAGAATTCGTCGGTAAAGCCGAGATTTGCTCTGGAGTTGGATGGTCTCAATTGCTTTGAACTCT
CGTCCCCAATTGAGGTTTTCTCACGTTGAAATCAAGATTCAATTCAAACTCATATACTTTTTTTCTTCATTCATTC
TTTCAGTTTTTAGGGTTTAAAAATTAGGGGATACGAACGAAATTTGGGGAATTGTAGTATATAATACAGAGTG
TTCTTCTTTTGGATGGAATTAATGATCAGATTCTGTTCTACTCTGATACTATATTGGTTGATTGCTGTTG
GTGGTTAATTGTTTTATATTTTCAAGATTTAGAGTATTGTGAATGATCTGGATGGATAATCTTAGAGATTTT
TTTTCTTTTGTAGAAATTGGAAATTGTGAGAACTCTTGTAATTGACAAAAGAATAATTGTAAATTATATTAATG
GGAATTGTTGGAACACGGAAAGAATATAAATAATAAGTTTGGGGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4062 AF325008|Arabidopsis thaliana AT4g22310 (AT4g22310/T10I14_140) mRNA,
complete cds

AAAAAGAGGAATATCATAACCGCGCCCAGCCATTGACCAGCTTGGCCGCCTCCAAAATCCATTTCTATAAGAA
CACAATTCCTTTGATTGAACAGATTACAAGTAAATTCAGGCTGGTGGCAAGGGCCTTTGAGCTCGAGGACGA
AGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAGTATTTATGGCGACTTCGAAGCTCCAAGCATTGTGGAACACCCTGCTGGC
CCTAAAACCATTCATTCTGGGCACCAACCTTTAAGTGGGGTATCAGTATAGCCAATATTGCTGATTTCTCTAA

GCCACCAGAAAAAATTTCTTATCCTCAACAGATAGCTGTTACAGCCACTGGAGTTATCTGGTCACGTTACAGCA
CTGTGATCACACCGAAGAAGCTGGAACCTTTTTAGTGTCAACATTGCAATGGCAGGGACTGGCATCTACCAATT
GACAAGAAAAATACAGCATGATTATTTCTCGAAGGAGGAAGTAGCTGCTGCCAAAGAATGATGACGAAATAT
GATCCATTCTTCATTTATCTCTGTGACGATCAAAATTTCCCTTGCTTTCCATGCATCTCCCCCTCCAATTCCTCTG
ACCTTCTACCAAAGGCTCTATGACTTCTCCTTTATTTTCAATCAATTTATCTTCCTTTATTTTACTTTTGTAGCTAT
GCAACTATGCTTGAAACTGTTCGGAAAAATAAATAAGATCCTGATTTAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_4063 AF378900|Arabidopsis thaliana At2g04520/T1O3.7 mRNA, complete cds

CTCCATTGAATCCTCTGTGCGAGAGAAGTATTATCTGCAACCATGCCAAAGAACAAGGGAAAAGGAGGAAAG
AATAGGAAGAGAGGTAAGAACGAGGCAGATGATGAGAAGCGTGAGCTTGTGTTTAAGGAAGATGGACAGG
AATATGCTCAAGTGCTTCGAATGCTAGGTAATGGTCGGTGTGAAGCGATGTGTATTGATGGAACTAAACGTCT
TTGTCATATTCGAGGAAAAATGCACAAAAAGTTTGGATCGCAGCTGGGGATATCATACTAGTTGGTCTTCGT
GACTATCAAGATGACAAAGCTGATGTGATTCTCAAATACATGCCTGATGAAGCCAGGCTTTTGAAAGCTTACG
GTGAGTTACCTGAGAATACACGTCTTAATGAAGGTATTGTTGGGGGTATGGATGACGACGACGAAGGTGGTG
GTGATGCTTACATTGAGTTTGAGGATGAAGACATTGATAAGATCTAGATATTAGTCCTTTATTTTGAATAATCT
CTTAGTAAATGATAACTACATACTTATGTGGGGTGAGGTTGTATAACCGAATTCGGTTTCATAATAGTCTGAAA
ATGATGGGAATCGGTTAAGTCCATGTAACATCTGTTTCGTTTATACAGAATGATTACATATGTCCCTTCTGGCCA
ATAATACTTCTATTGGAATACAACCTTCACCCCGTTGTTGAGATGGTTTTGTACCATTCTTCTTTTAAATGCAAG
ATGTGATATTTTCTCT

>trans_s_4064 NM_001124880|Arabidopsis thaliana NFD6 (NUCLEAR FUSION DEFECTIVE 6) (NFD6)
mRNA, complete cds

TGTAGAGCGGCGGCGGAAGGGTTTAGCATTTCAAGTGCCTAAATCTAAGACGGAGCTCCCTTCCTTCATCCTC
GCTCATTCCACATAATTTCTCTCGATTTACCATGGCTTCCTTTGCCGCCAGGGCCATTTCCGATCCTCCTCCG
GCAAGGCTGCCACTCTTCTGAGCGCCGGAGCCAGAGCTGCTCCGGCTCGTTCACCATTTTCGATTGCTTCCAA
CGACCTTTCTCCCACTCCTCTTTTAGGATTCCGATTGAAATGAGCTTTTTCGTGGAGTCCATGCTTCCATTCCAT
TCTGCAACTTCTTCGGCATTAAATGACTTCGATGCTTTCTGTTTCTCCCATAGTTATGGTTGGCTTTCAGAAGTG
TCTGGCTTGCAAACCTTCATGATATATGATGATGATTGGATAAGGTTTTGACCACCTGGGCAACATATTCTATTC
AACCTGACTTGCGCATCTTATTCTTTGAATTCTGTTTCCCAGCAAAGCACATGGTTGAGATTCTCCTAGAAAC
ATGAGTAACAGTTTTTGTAGGATTGTCTTATATTTCTTGTGGTGTGTGAACAATGATATTAATAAAAAAATAA
CAGTATTAGTAGAAAACAATTTGTTATCTCGTGGTTAATTTATGGTTTTAATGATGTTAAAAAGGAAAAGGAA
AAGAGTAAAAAGTGGAATGTGAATGAAAAAGAAGATATTAAGGTTGTGTTTATCCCGGTGAAACATAACCA
ATCAAA

>trans_s_4065 AJ515025|Cicer arietinum partial mRNA for transportin-like protein (trn gene)

TCCAGACTCATGATGAAAGAAAGGAAAAGGAATGGGAACACTATAAGAAGGGCACCACACTATCTCAACATA
TCTCCCTGTACAACATTTTTTTTCACTTCAGCTGGCTTCATTTTCAAGTGCTGTCTCAACCAACCAAGTCAACCTG
TATAATTATCTTATCTTAAGAAGGATGTGCAATCTTCTTCAAGCTCAGCAGCAAACCTGATTTTTTTTTTTTTTA
TAACTTGAAGTTTGCTCCAATCATCAATAATAATGACACACAGACAACGCCACAAAACGACACATCCCATCTGT
TTTCGAGACAGAATTTGAAGCATATGTTTTGAGAAGAATGCTGGCTGAAGTAACTGATAAAACATCATCATC
ATCCTATACTTGATATTTTGATAGTTTGTCTTCACGGATGGTTCTAGAGAAGAAATACACTGGTCCCACCCAC
CATTTCTCAGCATCTGCTTATAACCGTGTAGAACCTGGCATACTTCATTATGAAGATCTTGACTCCTTATTTTAT
GCCAACTGGCAATAGCTCTGCACATATAAGGAAGCGAGTTTACTGCCCCTGAAGGATTTGATTTAACCAGAGC

GCAAAGACCTCGAAAAGCATCTTCCTTTTCTACATCATCACGTATCATGGATAAAGCAGTGCACCATGGTTGGA
TGAAATGTTCCATATCTGGTGACACTAGCTGAGGACAAACCCATGCGATCCTTCCAAGTGTAATTGCACTGTTT
TCTA

>trans_s_4066 Y17899|Antirrhinum majus mRNA for small GTPase

AACTTGAGGAATGGCATTAGGAGGAGTGAGCTTTGTAAACCCCAAAAACCCCGACGGCAGTGAGCAGCGAA
CACCCAAATCCTCTGCTTTGCTTCTTCAGTTCATATCCTTCCTTCCTTCTTCGTTGATGCTTTGAATGAGATTTG
AGATGAAGGCTTTAAGGGCTCTGAGAATAGCCACCGCCATTCTCTCTAAATCCCACCGGGCTCTCTCTGAAT
CCAATCTTTTCCCCTCGATGTTACTCTGCTCAACCTGAGCAAGACGATTCCAGTCAACAACCTACTCTCTCCGAC
ACTGAAAATGCCCCGATTCTGTATTGATAGTTCGCAGTTCGATATTCCAACCATGGATTCAACTACTAAAAC
CGAGCCTGACTACGGTTGGGATAAGAAATATAGGTCTAAAGCCGACCAACTGATATTTGGGAAAGATTTCGGA
GGGAGTGAAATACAAGTTTATGGAGGAAGAGGAGGAAAGGCGACGGAGAGTGCTTGCCAAGTCTCTGCTTG
AGGCGGCCTTGAAACTGCTGATGATGACGAAGAGGATGGCGAGAGAACTGTGAAAGAGGAAGACCAGAA
GTCTCTGGCAGTTGGGATAATTGGCGCACCAACGCTGGCAAGTCCGCGTTGACTAATTATATGGTAGGAACT
AAAGTTGCCGAGTTTACGGAAGACGAATACCACTACTCACGAAGTCCTAGGAATAATGACTAAAGGACATA
CCCAAATTTGTTTC

>trans_s_4067 AY106899|Zea mays PCO110557 mRNA sequence

CATTTTCCCATGTATGTTTGAGTGTTCCAACCTGATTAATCATTTTGTTATCTAATGTTGACTAGAGTTAGACAG
TTTCTGAACTTGTTAACTCAGAAAGCAAATAAATATGATCACGTTCTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCC
CCCCCCCCAAAATTTTTTAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTTCCCCTAAAGGGGGTT
TAATTACCCCCCCCCCGGGCCCTCTTTTTAAACCCCCGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTTAATC
CCTTTGAAACACCCCCCTTTTCCCCCGTGGGGAAAAAAGCCCCCCCCAATCCCCCTCCCCAAAT
TTGCCCCCCCCGAAAGGGGAAAGGGAACCCCCCTGAACGCCCAATTAACCCGGGGGGGGGGGGTTTAC
CCCCAGGGGGCCCCTAAATTTGCAGGCCCCCAAGCCCCCCCCCTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTCCCCCGTT
TGCCGGGTTTTCCCGAGAAGCTTAAACCGGGGGCTCCTTTGGGTTCCATTTTATGGTTTTACGCCCCC
ACCCAAAAAA

>trans_s_4068 NM_100189|Arabidopsis thaliana glutamate binding (AT1G03070) mRNA, complete
cds

TCTCTGGTTTAGACACGATTTCTCGAGAACTCTCGGGTTTACCAGAATTCTTCCATTTTATACCCTCTCCAACAA
TCCAACCGAAACTCGAATTTGTGACAACTTTGCCTTTTGATTCAAAGCTTTGTTTCTCTGTTTTCTGTATTTG
GCGTTTCTAAATGTGGAATCATCAGCGGAAGTATGATGTGGAGGGCGGAGCAACACCGCTGTACCCACGA
TGTTGGAGAGTCCACAGCTCCGATGGGCTTTCATTCGGAAGATTTACTCTATTATTACCATACAACTGCTCGCC
ACCGTTGCCGTTGCCGCTACTGTTGTTTACGTCCGACCAATTTCTACTTTCTTTAACTCAACTGGGGCGGGCCTG
GCTTTATACATCATTCTCATTCTTACGCCTTTTATAACGATGATACCACTGTCTTGCTACTACCAGAAGCATCCC
GTCAATCTTCTTTTGGGTATTTTCACGATATCTTTGCGTTCGCGATTGGGTTGACTTGCGCGTATACAAGC
GGGAAAGTCATTCTTGAGGCTGCAGCTCTAACTGCTGTGGTTGTGGTGAGTCTCACTCTGTACACGTTTTGGG
CTGCCAAAAGAGGCCATGACTTCAGCTTCTTGGTCCATTTCTATTTGGTGCTCTGATTGCCTCCTGATATTTG
GTCTGATTGAGCCTTCTTTCCATTGGGTGCGACCTCTATTATGGTTTATGGATGTCTAGCGTCCATCATTTTCT

>trans_s_4069 BT025580|Arabidopsis thaliana At1g28540 mRNA, complete cds

AACGTGGCTCAGGCAAACCGACTTGGACGATTCTGTTGATGCTGTAATTGTAATTAGAAGATATCTCGGCATT
GAGAGCTGAAACTTTTGCTCAGTAAAATTGCTGCCGATCACCATGACTGAATCCAATCTTCCCAACGATCCTTC
TCCTTCTCATCTAAATGTCGAATGAAGTCGGTACCGGTGCCCCTAAGTCCGAGTTCACAGGCCAGAGGGTC
CGGTTTCCGAACCCACCGGAGATACAAAATCCCGACCCTGCAACTCTTCGAGATCAATGGAGATTTGCCATTA
GACAGTACAGTAAATGGTACTCACACGCTTGGGGTACTGCTATACTTGCTGGAATCTCCTTCTTCGCTCTCGGT
TGGGTATTAAAGGCTCCAATCCTCTCCCTCTCGCCAAGATGATTCCAATTCGCCTTCCTCCTCTGCTTCCACTA
GCGCACCTGAAGCTCGCCCTTGAATTTCTGACTTTGGGTTTAGAAAAATAAACCCATCTTTGCTCACTGCCGCT
GGATCGATGACTGTGCTTGGAGTTTGGACGTTTTTAATCTTCAGAAAGCTTCGGTACTTGACTGTCATCATTTTC
TGCAACTATGCGTCTTGCTTTCATTTTTCATGGTTTTGATTTTTCCATTTTGTAAGTTAACCTTTTTCATACGCG
GTTGGATAGGAAGTGTGAAGTTTATAATATATGGGTGGACATTTATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4070 Novel Gene

ATCGATGATGTGATTTCAAATCTGCGTTATCTATCTGCAATTTCTTTTAGGAATTGAAGATAACTGATCATCTC
TGAGATCTGTTTATCTTACACGATTGTTTGCTTCATTTTCTGTAGTTGGGGTTGGGCTGTTTGAAGTGTACCCCT
TCTGAGTTTCATTGCATCTCAGAGATCTGGGCATTTTTGTTCTTTGGTTATTTTTATGTGTGTTTGTACTA
ATGCAAACCTGGATCCGTGATGTTAATGGAAATCTGCGTTATCTATCTGTAAGTTCCTATATGGAGTTGATGA
TACCATGATTTCTGAGATCCAAACTTGTATTGTTTTGTTGTATAGTTTTAGGTGAATGGGTTTCATTTTAAACA
TCTTTTTTCATATCTATGTCGGTTGGTGACTCTGGTGGGTACTGTGGCCAATTGTGATTGAACATAATTTTTCTT
TTTGGCCACAACCTTGTCCTCCACTAGGTTGAGTTAGACGACCTCACACTCTAATACTTGGTTAGTTTAAAGA
TGAAATTTATGTCGGTTATAAAAAAATATAAACTAGTATCGGATCAAGAATGGTTATCTAATGACCAACGGC
TCCACATCCACCATTGTCAAGAGATAGGTTATTTGTATATGCTTGTGTTATTTGTGGCCGATAGGTTTTGGTGT
CATTTTGAAGCTGGCTGTGGTTTTATTGCTTCCCGGTTTGTGATTGAATATTCAAAAGAAACGTTTTACT

>trans_s_4071 NM_120508|Arabidopsis thaliana WCRKC2 (WCRKC THIOREDOXIN 2) (WCRKC2)
mRNA, complete cds

CGACTTCCCGGATGCTTCCTTTTATATTTATTTGTTTATTTTATAATTGGATTTCTCAACTCCAAAAGAAAAACA
AAAAGAAAAAAGAAAAAAAATTGTATTTGTTTCTCAATTCTCTTTATTTTATTCTTTTATTGTTTGTTCCTC
AACGAAACCAAATGGCGTTTCGTTAAGGTTTTCACAGTTTGTGAAATCCATCGGAAACAATATCTGAATTGACTC
TGATTCTCCCGGTGGGACTTCACCGGAACCATCTCTAGCGCCGCCCGTCGCCACTCCCATCAAACCCACCAG
CCTCTTCTCTTTGAACTTTCCTTTTGTACCCAATTCTTCTCCCTTCCGAAATGGTCAAAGCTCTGCCCTTCA
CCTCGGAATTGTGAAATCTTTTCCAAATTCGACAGTTCTTTGATCTTCTCCGTCTCCTCAACTTCTGTCCGCG
AGGCTCCCTGGTTCTGTTTCAACAGGCTTCCTTGTCTCGGAAATTTCCGCCGATTTTCCAGAAAGTTTCTGCG
ACTGGTGAGAAGACTTCGCTGCTCGGAGCTTGGACACAAGATAGTGCCTTGCAATTCGAGATGAATCGCCTG
TTTCGATTGAGCTCAAGTCAATTTCCAGTGAGCTTGAGTTGATAAGGCTATTGCAGATGCGGAGGAACGCAA
CGAGCTCGTGATTCTGTTTGGATGGCTAACTGGTGCAGAAATTATTTATTTAAAGCCTCAACTGGAA

>trans_s_4072 HM122498|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L24)
mRNA, complete cds

AAACCCACCACCGCCGACGATCAGTCCACGTCGCTCTCCGGTACCACGTCTAACTCCAGTGGAAGGCTCATG
TCTGTAATGTTTGTCAAGTCGTTCCCCACTGGCCAGGCCTTGGGTGGCCACAAGCGCCGCCACTACGATGG
CGGTGCTAGCGTGCCGTGAATCACCAGAGCTACAGCGGGATGACGTTGACATCGTCGGAGGGAGTAGGTTTC
GACCCACACAGTTAGTCATAGCCACCGAACTTTGACCTGAACATCCCGCGTCGCCGGCTCTGTGCCAAAG
CTCTTCTCCCGGTGATGAGGAGGTGGAAAGCCCTTTGCCGACGAAGAAGCCTCGGTTCTCTGGCTACCGG

AACCGGAGATCTCGCTGAATTAGAACGATTCTTTCCCGATTGGGAAAAAGGGGTGAATCAAAATTCATAAT
TTAGTTGAATTTTTATTTTATAAAATTAGTTTAGGTGATTTTGGGATATAGAAAAGAGAGGGAGAAGACAA
AGACATGGTTCGGTTTGGAACTTTGTATCACAGAAAAATTCAATTAATTCTTTTCTTTTCCAAATTGGGAAGA
TTCGTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAACAGAATCCCATCATGACAAGCCCCAAACCCTAC
ATGTGAGTTGGAGTTGGGGTGGGCTTATCAATGTAGCAGGAACATAACTAACTCAATTGGGCGATTATT
GGAATTTGGTAAATT

>trans_s_4073 AJ006025|Cicer arietinum mRNA for acyl-coA synthetase, partial

CGGATGGGAGCTTGAAAATTATTGACCGCAAGAAAAATATTTTCAAGCTTCTCAAGGAGAATATGTTGCCGT
GGAAAATTTGGAGAATAATTAATAGGGCTTGTATCTTCGATAGAGATGATCTGGGTCTACGGGAACAGTTTCC
AGTCAGTTCTAGTTGCAGTTGCTAACCCCAACAAGATAACACTGGAACGTTGGGCAAACGAAACGGTATTGA
AGGAGACTTTGATTCATTTGTGAAGATAAGAGGGAAAAGGACTATCTGCTTGGGGAGCTCAACAAAATTGC
AAAAGAGAAGAAGTTGAAAGGCTTTGAGTTTATTAAAGCCATTACCTTGACCCTCTACCATTGATATGGAA
CGTGACCTAATAACTCCAACATACAAGAAGAAGAGACCTCAATTGCTCAAATATTATCAGAGTGTAATTGACA
ACATGTACAACAATGCAAAGAAGCCTTAATGAATGAAGATGACATCTATGGAATCCATTGCTAACTTGCACT
CTTCTCGTGAAATGATCCCCTCTTCTTCTACTGGACATATGGGTACTAATCAACCTAATCAATCCATTTATGT
AAATAAATAAAGCTTTTGTTTACAGGGACGTGGACATTATTGACCCAAACATTTCTGCTATATTAAATCTAGT
AATTAGGTGTATTATTATAGACACGTGAGCAATTGATTTTCTCCTTCTTGTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_4074 NM_118229|Arabidopsis thaliana cytochrome-c oxidase/ electron carrier
(AT4G21105) mRNA, complete cds

AACCCAAAAAGAAGTATTCGCCAAATCCTCGTCTATCTGCTGCATCTCTCGAAGCAACGATTTGCCGCTCTCTTT
CCTCACGTGGCTATCTGCTGCATCTCTCGAAGCAACGATTTGCCGCTCTCTTTCCTCACAATGGCAGAAGTGGA
ACAACCTTTTAGACCCCGCGAGAACTTGTTGAGAAGCAAAAATATTTCCAAAGCATCCACAAGCACACTTATC
TTAAAGGGCCAATGGATAAAATCACCTCCGTTGCCATTCCAATTGCTCTTGACGCTTCGTCACCTTTATCTCATCG
GACGAGGAATTTACAACATGTCCACGGAATTGGAAAGAAAGAATGAGGTCACTGTCTTGGCAACTAAATTC
AAACACTGTTATGCTTCTAGACTCATGTGAATTTTATCTTGAAGGAATATTTGTTTAATAAATGATAAGTTCCA
TATTCGACTAGTAGAATACTGGATATGATGCTCTGCTTCTACTTTGTTTCTCGATATTCAGCTCTCCTTTCATGA
AATTGTGACTTAGAGGATGTGAATTGGGATAATGGTGTATCTATTAGAATCGTTGAGCGACATCCAATATTGT
TATGACTTGGTTTTACCTTCAACATTTTATCAACATTTTATCATATGTTCTGATGGTTTTATTATATGCAGAAGATT
TGATGAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4075 AY456411|Lycopersicon esculentum ribosomal protein L3 (RPL3) mRNA, complete
cds

ATGTGTCACCACAAGGCATAACAGGGCAACTTGGTCACACCAATAAGGTCAATCATCTCATCTTTCTGGAAAA
CAGCTTCTACTGGAACCTGCTTCTCAAAGAAACCGTAGGCATAGTCCACCTTCTGAGCAATTGAACCACCATTC
ACCTGGATCTCCATCAGGTGTGCTTTCTTTGCTTCAATCCCTTCATCTTTGTGATCTGAGTATGAGCCAAGACA
CGGATCACCGATGCATATTTCTTCAGCTTCTCAAGCTTCTCCTGGATGGTCTTCTTCCCTCATCAGTTTCATATT
GTTTAGAGTACTTAGCAAAAGCTTCTTCTTGTGACTTGACCAAGTTCTTATAGAATCTCCTCCTAACTTCCTCACT
CAAATGCTGAGCCCATACAGTGCCCAAGTGCGCAGGCCACGTGGGGTCTTCACATATCCAACGACACCAACA
ATCACCATCGGTGGGGTCTCAATGATTGTACAGGCTCATATGTCTCCTTCTTGTGGAGTTTAGATCCTGGCTT
CTCAACCTCCCTGACAATGTGGGTCAATCCAGCCTGTAAACCCAAAAAGGCAGTCAACCTGCAAGGCTTGGTT

[illegible]

>trans_s_4079 NM_001057461|Oryza sativa Japonica Group Os03g0685500 (Os03g0685500)
mRNA, complete cds

ACAAATCCGTAACCCTAAAATTTCCGATCTCATTACTGCAGGAAACAGCCACCGCGATTTCTTTTACTATTCCCTC
CACGCAGTCGCCCTATCTTTTAATCCTCAACCATGCCTCGTCGCAGCTCCGGTGGACGATCTGCTCCCCGTCCC
GCCGCTCGCGCTCCAGCTCGCAATCCTCCGGCGCCAGTTAATTCCGCTCCTCCACCTGCACCTGTACAAGGTGG
TGGTGGTGGTTCTATGCTTGGAGGTCTTGGTGCCACTATTGCTCAAGGTATGGCCTTTGGTACCGGAAGTGCA
GTGGCTCACAGGGCTGTTGATGCCGTAATGGGTCTCGAACCATCCAGCATGAGACCATTGATTCATCAGCTT
CCTCAGCACCTTCTGTAGCAACAATTTCTGGTGGTTCTGATGCTTGTAAATGTTCAAGTCAAAAATCCTTTCAAGATT
GCCTGAACCACTATGGAAGTGACATCAGCAAGTGCCAATTCTACTTGGATATGTTGCAGGAATGCCGCAGGA
GCTCAGGTTCTGTTTTGGGTGCTTGTAAATAATTGATTTTTAGAACAAATCATTTATTCACACTTTTTTCATTTGGAT
GTAAGTGAAGGAGCGGTGTCAGTTATTTTTGTGTTTTGACAATGCTTCACTTTACGGCTACTTCTCTACAACATA
TAATGGTGTTTAAATAATGAAGCACTTCATCATTTGGACTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4080 NM_001055743|Oryza sativa Japonica Group Os03g0187300 (Os03g0187300)
mRNA, complete cds

ATGTATGAGTTCGTTCAAATGACGATGGATCTATTTCCCTTTGTTATTGATGTCCTCTGTCACAGCTATGGACTC
CAACTGCTCCAGTTCATCAGTCGTAGCCGGAGGAGCGGTTGGGCCACAGGCAGCCGACGTATTGTCTGCAA
TAGAGAACAATCAACGCAGACTTTCCCGTAATAGAGAAGCCATACTGCCTTTTGAAATTTTGAGCGGTTTAG
GATGCATGATTTCTCAGAAGGAAGCCTTCATCCATTTGAATGTGCTCAGAGTTGATATTGTAGGCTTTTTTTTT
GTTTATAATGGATTCACTAAGATTGGAATAGCCATAGTTGGTGAATAGCGGAGTTTAAACACACCGAACATATC
GTTCCAACAGACTTCTATGAGTTGAGTCAGGTCAAGATGAGAAGCCTCATTCAAGTTCTCAATATCTATAACAT
TTAACGGTCAAAGCTATACTATTTTTATGGGTGTTATTTGATTTTCTTCCTTTTTGCCTTTGTAAATTTTTGTAAA
TGTTCATTTTGTTGCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTAATAACTTGCCGTTTTTCCATCACAATTTCTTTCAT
TTTCTATATTTGGTTCATGTTTACGTTATAATGTACAGAATAAAATAAAGTCGGCAAATGGTTCGAGTATGTN
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4081 NM_001052246|Oryza sativa Japonica Group Os02g0120600 (Os02g0120600)
mRNA, complete cds

GGTGCAATAATAAACCAAGTATTTCTTGTTTCTTCTTTCCAATTTTCCTTAGTAGAATCAAAGCTGAGAGGTTG
CAAAAATGGCTTCCAAGAGAATATTGAAGGAGCTCAAAGACTTGCAGAGAGACCCACCAACTTCTTGCAGTGC
AGGTCCTGTTGCAGAGGATATGTTCCATTGGCAAGCAACCATTATTGGTCCTAGTGATAGTCCCTATTCTGGTG
GAGTTTTTCTTGTTACCATTCAATTTCTCCTGATTACCCATTCAAACCTCCTAAAGTTGCTTTTAGGACAAAGGT
GTTTCATCCTAACATAAACAGTAATGGCAACATATGCTTGGATATCCTCAAGGAACAATGGAGTCCTGCCCTCA
CGATTTCAAAGGTTTTGCTCTCAATATGCTCTCTATTAAGTACCCAAACCCAGATGATCCATTGGTTCCTGAGA
TTGCTCATATGTGCAAGACTGACAACTCAGATATGAATCCACTGCTAGGAGCTGGACCCATAAATATGCCAT
GGGTAAAAATTAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATA
AATACTAATTAATAATAACACAACAAAAAATCCAATTTTCTATAACTTAATGTATTGATTAAATCCTTTTCCC
TAAGTCTACTCCTCATCACTCTTCTTTTCAATTTCCCTTACCAAATATGTATTGAAAGGCCCTAATAAACTT

>trans_s_4082 NM_121242|Arabidopsis thaliana carbon-nitrogen hydrolase family protein
(AT5G12040) mRNA, complete cds

AAACTCCTACTGTTGTAGACACAGAAGTTGGACGTATTGGCATAGGAATCTGTTATGACATCCGTTTTCCAGAA
CTAGCAATGATGTATGCTGCAAGAGGTGCTCACTTGATTTGCTATCCTGGGGCATTAAACATGACTACTGGACC
ATTGCACTGGGAGTTATTGCAGCGTTCAAGGGCTGTAGATAATCAGTTGTATGTGGCAACGTGTTACCTGCT
CGAAATGCTGATGCTAGTTATGTAGCTTGGGGCCACTCAACCCTTGTTGGGCCGTTTGGGGAAGTGCTAGCTA
CAACGGAACATGATGAAGCAATAGTCATATCTGAGATTGATTATTCCTTCATAGAGCTTAGAAGGACTAACCT
ACCGCTTCTGAAACAAAGGCGTGGTGACCTTTACCAGTTGGTAGATGTTGAGAGGTTGAAATCCGAATGAAA
GGCGCAAGGACTGCTTTGAACTCTCCTTTGCTTAAATTTTCATCGGATTAGAGTAAATTAACCTTTCCGCTACTG
CTCCGTCCTACTTGTTTTGAATTACTGCGAGTCCAGATTACAACCTGTTGGTGCTGTACTGCTGTGGCTTGGCG
CTAACAGGCAGCTCCCAGTTAAAGTTCAATTGTGCTGATGAGTAATGTTCCACATCTGTATGATTTACTGAACT
ACTGGAATAACCTTGATTTAATAAAGGTTTATGTAGGACCTGTATTACCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_4083 NM_001065400|Oryza sativa Japonica Group Os07g0141600 (Os07g0141600)
mRNA, complete cds

AAGAAAGACGGGTGTCCATTTCAATTTTTCTCTCTCTCTGTTCTTCCCAATTTCCGTCGACCACGAGCCGCTA
AACAGCTTTTCCCGCTCTTCGTGACTTCATCGGCGTTCTTCTCTCGTTCTTGCTGTGAAATTTTCATCTCGAAA
TTGGAGAACATAGTTTCATCCGAGCTGTTCTTCAACTTGCGCCGAATTGTTTACGATCAGGGAGGCTTTATAA
ATCTTCTGCCGAAGCTTAGGAAATGGCTACTTTGGCTGATTCTTTCTAGCAGATCTTGATGAACTCTCTGATG
AAGACAAGTTTCAGGGCGAAGCAGGTGCCGATGCCGAAAATATGGAAGAGGATATTGATGGGGACCTTGCC
GACCTAGAAAAGCCTTAATTATGAGGATCTGGATAGTGTCTCGAACTGCAGAAAACACAAAGATACAATGATA
TTATGCAGAAAAGTTGAAGATACATTGCAGACGGATTCTAATATCTCAAATCAGGGATTTGTATTGGAAGATGA
TCCCGAGTGCCAATTGATTGTAGAGTGTAATGCCTTGTCAGTGGATATTGAGAATGAAATTATTATTATTCACA
ACTTTATACGTGATAAATATCGACTGAAATTTCCAGAGCTTGAATCATTGTGCACCATCCAATTGATTATGCTC
GAGTTGTTAAGAAGATTGGGAATGAAGTGGATTTGACTCTGTAGATCTAGAAAGACTTTTACCTTCTGCTGTT
ATTA

>trans_s_4084 NM_001188564|Oryza sativa Japonica Group Os08g0278966 (Os08g0278966)
mRNA, complete cds

ACGTAGAATTTTGACGGTGTCTTATGTGACCTTGCTCGTTCTGTAGTGAATTTAAGAATCGGATCGCGCCATTT
TTCTACTCCTATCGTTCTTCCCAATTCGAACATGCAGGCCAGCGATAGATTTAACATTAATTTCCAGCTTGAG
CACCTGCAGGCTAAATATGTGGGAACTGGGCATGCTGACTTAAATAGATTTGAATGGGCCGTGAACATTCAGC
GCGATAGCTATGCATCATATGTTGGACATTATCCATTCTAGCTTACTTTGCTATAGCAGAAAATGAATCCATT
GGAAGGGAACACTACAATTTTATGCAGAAAATGCTGTTACCTTGCGGCCTACCTCCAGAAAGGGAAGATGATT
GAGATTTGAGATGTTATGAGGTCGTACCGTAATTAGAGTTGTAACTCTGGATCGTTATGTGGGCTCAAAGAG
CATTTTCTTTTGTTAGATAACTCTGCTACAAAGTGACTAATGGGAAATGCGAACTATTTTATCTTGTAATGCTCT
TGTTTGATGAAGAATCAGTTTCCAATAATCTACAGGACTATATACTGTAATCTATCATTCTCATCATTTATTTCA
AGAAAAAGGTCTATTTTCGGTTATAGTCTGGAGAACTTTCCATTTGTTGATGTATAATTCTGCTTCACCTTGAAC
TAAGTGTTAATTGTTTTTGTCTTTTGTGCGACAAGAACATGAACTTAATTTGATAGCTACGGATGCTGGATTG
G

>trans_s_4085 AJ002048|Corsinia coriandrina partial sequence of nuclear encoded 26S rDNA
genes: C7 to D8

ACATCTGTTACAGTCCACGTCAAAACGGCGAACCAAGCAATTCACCAAAAGCATTTGACCTAAATCCGATA
AAGAGGCCACTATTTTGAAAAACCAGCTAAAAAGCCCCAAACCAAACTCCATCCAAACGAAGCTACAGGATC

>trans_s_4086 NM_124289|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related (AT5G49120) mRNA, complete cds

>trans_s_4087 XM_002889724|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATP phosphoribosyl transferase, mRNA

>trans_s_4088 NM_001066244|Oryza sativa Japonica Group Os07g0498300 (Os07g0498300)
mRNA, complete cds

AAACTTTGAAGCTGTCACCAAGTTACGAAGCCGTGAAGTAAGAGTGGAGGGAGGGTGATCGCGGTTCCGGCT
ATATACACATTATCGATCCACTGACATCAGAAAATGGCATGGAGTGCACGATGATCGGAGCCCTTCTGGGCC
TCGGCACTCAGATGTACTCCAATGCTCTCCGTAACTCCCTTACATGCGCCATCCTTGGGAGCATTGTTGTCGGA
ATGGGACTGGGAGCCGTCTTCGTCAATCAGTGGTCAAATGGGACGCTAAGCTCCAGGAGGACCTTGACAAG
ATGCTCGATAAGGCCAAAGCCGCCAACGAGCGCCGCTACTTTGATGACGATGACGATTGATTGGAAGGCGCC

CTATGCATTATGCCCTTTTTTATATGAAGTCATCTGTGTTTTTTTTTTTTTTGATTTTTTTTTTAAAATAGAAG
TCACCCTTGTTTACAGAGGATGAGGTCTTGTTGGCCCTATTTCTCAATTATTGACACACTTTTTTGAAATATTTT
GACATTCCAAGTTTTTTGTTGGCTATTCCTTTGTTTCTTCTGTTTAGCAACTTAATAGGAAGGAGGGTAATGTTT
GAGGTCTGTAATAATAAGGGATTTGCCATTTGTGTAATAATACATGCTACTACTCTCTCTCTTCAAGTCTTAACT
TTATGCCTCTGACATTCAAGCAAACCCAGCTATTGCAAATGTAAGTTTTAGTTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4089 M82923|*Spinacia oleracea* chloroplast ribosomal protein S1 (rpS1) mRNA, complete cds

AAGGTGGAGTAGTGGCAGTTGTTGAAGGCCTAAGAGGATTTGTCCCTTCTCACAGATATCAACGAAATCAAC
TGCTGAAGAGCTTCTCAACAAGGAGCTTCCTCTAAAGTTTGTTGAGGTTGATGAAGAACAATCGAGGCTTGTC
CTTAGTAACCGTAAAGCCATGGCTGACAGCCAGGCACAACCTTGAATTGGATCAGTGGTCACCGGGACGGTT
CAAAGCCTTAAACCTTATGGTGCATTCAATTGACATTGGTGAATCAATGGTCTTCTTCATGTTAGTCAAATCAG
TCATGATCGGATATCGGATATTGCAACAGTTCTTCAGCCTGGAGATACTCTCAAGGTCATGATATTGAGCCAC
GATCGTGAGAGAGGCCGAGTTAGTCTTTCTACCAAGAAGTTAGAGCCCACACCTGGGGATATGATTTCGAATC
CAAAGCTTGTTTTTGAGAAGGCTGAGGAGATGGCACAACGTTTCAGGCAAAGAATAGCCCAGGCAGAGGCA
TTGGCACGTGCAGACATGCTTAGGTTTCAGCCTGAGAGTGGTTTGACTTTGACTACTGATGGAACATTGGGAC
CAATTACTCCAAAGTTACCTGTAGAAGGTTTAGGTTTGAATGATGTACCTCCCGCTGAAGAGTGAAGATTCAA
AACTTTCATACCGCTGTATTTTGTACAATGTTTCACTTTGTATACAAAATTCTGCCCTTGTAATTGGGTACACAA
CTTCGTCCAGCA

>trans_s_4090 X68077|*P. sativum* mRNA for phosphate translocator

AATACTGACTTCTCATGGAATTACCGCCAGAAATTGGTTCGCGATAAGCCCCCTCCTGAATAAATCCTCGCCTT
ACCCAACCAAACCACATTTCTACTCTTTCTCTCTGTGCTTCTCCTGAAGTTATGGAGTCCCAGTTTCTCTCAC
GCGCCACCTCCTTCGCCGGCGGCATTCCCTCCCTCCGCAAGTTGCACAGAGACGCCACCACTAACAGCCACCAT
GTCGCCTTCGTTCACTAGGCCCATCGCCGAGGGAGCCAACTTGATCTGGGGAAGACAACTCCGCCCTCTT
TGCTCCTCGATACGCCGCATCTGTCTCGGCTAAACGTGAGACTATTCGCCCTACCTTGCGGCGGCCTCCTCTT
CTCCAGCCGGAGGTAGCGATTCCGCCGGAGAGGCGAAGGTTGCTCCGGTAGGTTTCTCGAGAAGTACCCGG
CGTTGGTCACCGGATTTTCTTCTTCATGTGGTACTTTTTGAACGTGATTTTCAATATCCTCAATAAGAAGATAT
ATAATTACTTCCCCTATCCATATTTGTGTCGGTGATCCATTTAGTTGTTGGGGTTGTGTACTGTTTGATAAGCT
GGGCAGTGGGTCTTCCTAAGCGAGCACCTATTGATTCAACCCTCCTGAAGTTGCTGATCCCTGTAGCTTTCTGT
CATGCACTTGGCCATGTCACTAGCAATGTCTCATTTCGACGCTGTTGCTGTCTCATTCACTCACACGATCAAAGC

>trans_s_4091 BT022040|*Arabidopsis thaliana* At3g59800 gene, complete cds

GTGCTTCTTAATTGATTTCTTGCTGGACATATTTCGAAATGGGTAAGAATCAAGCATACAAAGCAATGCAGA
AAGCTAGGCTGGGATCCTCAAGCTCGACTGGGCCAGCTGAGATTGAAGATGGAATGCGTGGCATGCTGCTCG
TTTGGCCAGCCTTAATACTTCTCACACGATTACCTGGGAGGAGTATAAAAGGAAGCAAAAGGAAGATGAGTT
GAAAAGGGGAGAGCTGGAAGCAGATACGGATAGAATGATGAAAGAATATAGAGCACAATTGGATGCTGAGC
GTGCACGAAAACCTGCTCATGGAAGAAATCGTTCTAGTAGCAAGACTGGTCATGAAAAGGGTACGAAAAGGG
TACGTTTGATGCATTTTGATATTAATTAGATAACTGAGATCTTCTAAAGCAGTCAGCATTACAGATAGGAAGAA
CAGAGAATTAAGAAGCGGAGCAAAAAAAGAGAAAAGGTGCTGACATTGTTAAACTCTTACTACCCCGATTCT
AGCTATATTGCTTTTTGATAATGCTTGCTCCTTGAGTTGATAAGTATTGTTAAATTTGATGCCACTCAAGTTAC
TTTGGTCATTTTGGTAGTATGAGCACTATGAAATCATGAAACATCCCTTTAGCACCAGGGTATTTCTGGTGTCTA

GTTTAATTTAATCCGGTAAACTTTGGTGATTTTCAAGTCAATAAATTCTTGTAACCGATTCTTCCATTTTATC
TCCAGAGTTA

>trans_s_4092 AB001422|Nicotiana tabacum mRNA for 21D7, complete cds

TGGTGACTTGGAGCTCTTCAGGACTGTTGCTGAAAAGTTCTCTAGTACTTTTCAGCTCAGATCGAACTAACAAC
TGATCGTGAGGCTGCGACATAATGTCATCAGGACTGGGCTTCGCAACATTAGCATTTCTATTACGCATTTCT
CTGGTTGATGTTGCTAAGAAGCTTAGGTTGGACTCGGCAAATCCTGTTGCTGATGCTGAGAGTATTGTCTCCA
AGGCAATTCGAGATGGAGCAATTGATGCGACAGTCGATCATGCAAATGGGTGGATGGTATCAAAGGAGACT
GGTGATATTTACTCGACCAATGAACCTCAGATTGCTTTCAATTCGAGGATTGCATTTTGCCTGAATATGCATAA
CGAAGCAGTGCGTGCTCTTCGGTTTTCCGCCAAATTCACACAAGGAAAAAGAGAGCGCTGAGAAAAGGAGAG
AAAGACAACAGCAGGAACAAGAAGTTGCAAACACATAGCCGAAGAGGATGACGACGACTTTTAGCTTATTT
AATATGGAGGAGATGGTATGGATCTTTGTGCAGAATGAAATAAATACAGTTTTATTAGAAATTCTAGGGAG
AAAATTTTTGATCCATTGGTGGTTCAGATGGCCCTTGGCCGTTTTCTTTATTGTCAATTATTTGTGTTTGTAAATGC
CGGCTGCTTGCAACTTCTTCATTTATGGAATGTCCTTGAGATTTCCATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_4093 NM_001055767|Oryza sativa Japonica Group Os03g0191200 (Os03g0191200)
mRNA, complete cds

ACACAAAAATTTAAAGGAAAAGAAAAAGGCCATTGATCAATTTGAAAGCCATGGTTCCTTTCAATCCCACC
CTTCTTCTCTAAATGACAAGACATCAGCAATTCAAGAGCCTGCAGATAATTTAGCAAAGAAGAGGAAGTGGGA
AGAGTCGATGGTCCCGACGCCGCCACCCTTGAATCCGTATTAGATATCGAACTTCACCTCGAACTCCATTAC
CTTTCTATTGGCAAAGGTGTCTCGACATCCAGTCGGGAAAGATACACTTTTACAACATGACGACTCAAAGAG
AACATGGAGAGATCCAAGGGACAACTCGTCGATAAAGATGATGATGATGATGACGAAGAAGGAAAAGATG
ACGACTGCTATGACAAGAACGACATGAGTTTGGACCTTGAATCAACTGACTTGTGAATCCATGGACAAGAA
CAACAACAATCAAAACGTACAAGGTGTGCGTCGCGCTATAAATAACGGAATGGTGTGTTGGGTTGTCGGAGAA
TTACAACAACAACAACAACAAAAAGGCGGAGATGGTGGCGGCCGTTTGCATGAGGTGTCATTTGTTAGTGAT
GTTGTGTAAATCTTCGCCGAGTGTCTAACTGTAAATTTATGAACTCTCGCCGGAGCAGACGTCGCCGGCG
ATGTCCAAGCGCCGGTGTGTCATCTTCTTGGTAATAAAAGTGATAATTATATATTATATTATAAAAGTTAAGAGA
AAAATGAAAAACT

>trans_s_4094 AF180143|Glycine max ubiquitin carrier protein 4 (UBC4) mRNA, complete cds

AAAGTACATTTCAATTTTCAAGCAATAAGAAGGGTTTCCTAATTGAAAATTCTCCCTTCTCACTCCTATTTTCTC
TCTCTAGATTTCTCCTTGTTTCACTGCTTCATGTCTGAAGAACCCTGTAGCCTTTTCTTTTCAATTTCA
AACTGAAAATTTCTATTTCTTTGTATTCTAATCGACCCATCAAAGAGTAGAAACCATGTCTTCTCAAGCAAAC
GCCGAGAGATGGACTTGATGAACTGATGATGAGTGATTACAAGGTGGAGATGATTAATGATGGAGTGCAA
GAGTTTTATGTAGATTTTCATGGACCCAGTGAAAGTCCTTATCATGGAGGGTTATGGAGGATAAGAGTCGAAC
TTCCGGACGCTTACCCCTATAAATCTCCTTCAATAGGATTTGTAAACAAAATTTATCACCCCAATGTTGATGAGA
TGTCGGGTTTCGGTTTGTTAGACGTTATTAATCAAACCTTGGAGTCCCATGTTTCGATCTGGTAAATGTTTTGAA
GTGTTCTACCACTTCTTTTGTATCCCAACCCGTCAGATCCTTTGAATGGAGAGGCTGCAGCCTTGATGAT
GCGTGATCGAGTTGCTTATGAACAAAAGTAAAAGAATACTGTGAAAGATATGCAAAGCCAGAAGACATAGT
AGCTGCACCTGATAAATCTAGCGACGAAGAAGAACTAAGTGAAGATGAATCCGACTTGAGCGATGAGCAAGT
CA

>trans_s_4095 BT030068|Arabidopsis thaliana At3g22240 gene, complete cds

CTTGGCCGGTCCCTCTCCGCCGCCTCCAAATCTCTCCCCACATATTCTCTCTCTCTCTATATATATATATATA
TCTCGGTCTCTCCTAAACCATCAAGCTTAGTTAAACCCCAAAATTTAAACAACAAAAACATTTCTGATTTTCC
TGATTTGTTCTCTTGCAAATTAACATGAGTTCGGCTCAACCTGCAGGTGTTAATTATCCCCACCGTCGTCAC
GGTGCCAACCTCTTATTAGCTCCTCCGCCGGCGGGGTATCCGACGAGAGACGGCGGAGACTTCTCTCAACCC
AACCTGTTCCGGCTGAACTAAGTCTAGAGGCGATGGCTTTTGAAAGGCTGTTGTGCTGCATTGTGTTGCT
GCTGTGATTGGATGCATGCTTCTAGAGACACATTATGGGTCTCATTAAATCAGCATAATTATTGTTATTTTAGT
GTTTTATTTTAAATTTGTGAATTTTGGATTAATTATGTCATGATGTTGTAATAATAAATTTGGGTGTTTGAAAT
TCATGCTGATGAACTATATTGGACTTCTGTGATCATATCCTGAATGTATATTTTTTTTATATTTAATTATAGTT
TATTTTCTTTTTGGTGAGGAGCTGTTGAGTTTTGTTGTTTAAATATGGTAATGACACGTGGCATAATATTTTG
CTGAAACGTGTGGGTTGAGGAGATAAGGATGAAAAAAGAGTGAATTTATTTTACTTATTTTATT

>trans_s_4096 NM_120469|Arabidopsis thaliana electron carrier (AT5G03880) mRNA, complete cds

CATGGTTGATCCAAACACAGGAGTTTCAATGTATGAATCAGATGACATAATCAAGTATCTGGTTCAGAACTAT
GGTGATGGAAATGTACCTTTTTCTCTCTCTTGGACTTTTGACGACATTGTCAGAAGGCTTTGCTATGATTGGT
CGTCCGGGCAGGGGTTCTATCTATAAGCCATCAAAGCTTCCACCTGCTCCACTAGAAATATGGGCATATGAGG
GTTCTCCTTTTTGCAAACCTGTTCTGTTGAGTGCTTGTAGAGTTGGAGTTACCACATTTAGTACGTTGTTGCGCTC
GTGGCAGCCCCAAAACGTCAACAGTTGTATGAGAAAGAGGGACACTTTCAGGTTCCATACTTAGATGACCCCAA
CACAGGGGTGCGCATGTTTGAGAGTGCTGAAATTGTGGAGTATCTTCAAGCAACTTATGCTCTTTAGCGAGCC
ATCCTTCCAACCTCATTTCCAAGGTAGGGGCCTATGTAGCTCTAATGGAATCCTTTACCCACATCACATAAAGG
AACTTTCTGCCTCTTCATTGAGACCTTGAGATATCAGCCATATGATTCCCGAACCTTCAAGTCGATGCGTAAGT
GAATGTCCTATATTATTTTACTCTGAGACTCCCAAAAATGATCTATACTCAATGTCTGGTCTATAACAATATCAA
CTGCTACTATTCGTATACACCATAGGTATACTCTTCGCCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4097 NM_122652|Arabidopsis thaliana structural constituent of ribosome (AT5G27700) mRNA, complete cds

AGAACTCTAATTTCTCGTCGTTAATCCATCGTTTCCTTGCTTTCTTATCTAGATTTTGGATCAAACATCAAGGCCA
AAATGCAGAACGAAGAGGGAAAGATCACCGAGCTCTACATTCCCAGGAAGTGCTCTGCCACAAACCGACTCA
TTACTTCTAAGGATCACGCTCGGTTGAGATTAACATTGGGCCTTGGACGAGAATGGCATCTACACAGGCCA
ATTCTCCACTTTCGCTCTCTGCGGTTTCATCCGTGCTCAGGGAGATGCCGACAGTGCATTGGATAGGTTGTGGC
AGAAGAAGAAAGTAGAAGTTGCGCAACAGTAGAAAATCCAAAATTTCTTCTACTTGAAATATTATGTTTCTAAT
TTAGTGTTCCATTGAGAATTTATGAATATTGAGAGAGCCTAGCCTGCCTTTTGCTGCTAAAATTTGTAGTTTTTG
TTGGAGTCTTTATGTGATGAAGCTGGTTTTTGATAATTTCTTACTGGATTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCC
CGGCCCCCAATTCCCCTAAAGGGAGTCTAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTACAACCCCGGGGCGGG
AAAAA

>trans_s_4098 NM_127707|Arabidopsis thaliana RNA binding (AT2G21350) mRNA, complete cds

AAGCAAAAATGAGGGCTTCGATAATCTCCTCTCACTCTCACTCTCACGCTCACTCTCCTTCTCCGCTCAGTCC
CCTCCTCCTTCTCCACCTTCTTCTCTAAACCTCCGCCACCGCCGCTTCTCCACAGTTTGTTTCATCAATTTAA
GCCCAGCAGTTCAACCTTCTCACTCGCAAGTCTCCTCACTATTCCCGCCCTTCACTCCCTCCACATCCCTTTCC
TTCTCTCGCTTTTCTCCTCCACCGTTTCCGGTCCCTCCGAGGTCAGATTTGATGAAGGTGACGATGAAATTGA

AGACAAAGACGAAAGTGATTACGAAGATGAAGTTGAAATGGAAGATTCCGTTGGGGATGGAACGGAAAAACG
GTGTGGCTTCGGAGCTGTCTTCGCCGGTTATGAATAGAAATGAAGTGAAGAATATTCCGAGCTTGACGATTAA
GGAGAAGAAGGAGCTGGCATCGTATGCTCATGGTTTGGGGAAGAAGCTGAAAAGTCAGTTGGTGGGAAAGT
CTGGCGTCACTCCTGGTTTGGCTACTTCTTTCATCGAGACACTTGAAGCCAACGAGCTTCTTAAGATCAAAATT
CTCGGAAACTGTCCAGAGGATCTTGAGGATGTGGTTAGGAAATTGGAGGAATCAACTGGCTCTGTGGTGGT
AATCAGATTGGCAGAACTGTTATTATTATAGGCCAGCATCACCAAATGAAAGCTGAGGAAGAAAAACGA
CGTTCC

>trans_s_4099 DQ458770|Citrus bergamia pectin methylesterase (PME) gene, partial cds

CGTCAATTCTACATCAACTGTCTCGTCTCCGGCACCGTCGATTTTCAATTTTCGGCAACGCCGCTGCCATTTTCCAA
GACTGTGACATTCACGCTCGCAAACCAATTCCGGTCAGAAAAACATGGTCACGGCTCAAGGTCGGTCCGACC
CGAACCAAAACACCGGTATCGTTATCCAAAAATCACGAATCGGAGCAACGTCAGATCTCCGCCCGGTCCAGAA
GAGTTTCCCGACTTTTCTAGGAAGGCCGTGGAAGGAATACTCTAGAACCGTGATTATGCAGTGTTTCGATTAGC
GACGTCATTGACCCGAAGGGATGGCATGAGTGGAGCGGTAGTTTTGCGCTTAACACGTTGTTTTATGGTGAG
TATCAAAATACTGGACCGGGGGCTTCGACCGGAGGGAGGGTGACGTGGAAGGGGTTTAGGGTGATTAGGAG
TGCCACGGAGGCGGAAGGTTTTACCGCGGGTAAATTTATTGGCGGTGGGAGTTGGTTGCGCTCTACGGGCTT
TCCTTTCTCTTAGGATTGTGAGGGTGGTAATTTATTTTTGTAATCGGCTATTCATTTGTGGTAATTTTTTTCT
TTAATCTTTTTTAGTTCTTATGTGAATTTTGAATTACACTTATTGGTGACAGTGTAAGTTTGGTAAAAAGTA
ATAATAATTGCCAATGAAGAGCCTGTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAA

>trans_s_4100 FJ899660|Jatropha curcas membrane protein mRNA, complete cds

ATATCAATGCGAGCCATTAAGGCGAACTATTTAATCCCCAAATTTGCAAATCGAAGAATCAAAGTCAACATTCA
ATCTCTTTCGATCAGAGTGGTGACCGGAGAGAAGACTAGCCGGCCGGCCAGGAGGAGGATCGATTGCTGCA
ATTCTTCTCATCTCTCCGGCTACCCAATTTCTTACGAAATCATGACAACATCAAGGCGTCTTGCGGACCGAAA
GGTGGGGAAGTTTGAGAGGAATATCACAAGAGGGGGTCTGTTCCAGAGACCTCCGTTAAGAAGGGGAAGG
AGTATCCTGTTGGGCCCCGCTGCTTGATTCTTCATATTTGTTGTCATCGGATCATCTCTTCCAGATAATCA
GGACAGCAACAGGCGGAGGCATGGCTTGATTTGATTTGATACGATATATAATCCTCTGATTTTGAGATATGAT
GGTGTTATTATTACACATTACGTTGTGTCTTCTTTTCTAAGGCAGAAAGATGAACACAAAGGAAATGTTTTT
ATTATTTTTTTTTATTTTCGCTTTTAAATGGAATTGATTCCGCAGTTGTTCTTCTTCTTGTTGGGAGATTTCAG
ATTTTGGACAATAGTATTGTTACCCTTCTCTTCTGCTTTCACATATCTTGTAACCATCGACTTTGTTGTCAGC
CTTAGAAGAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAGGTACATTTCAACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4101 Z48221|P.vulgaris mRNA for protein phosphatase 1 (PP1)

TAAGAATGACCTTGATCTCATTTGTCGTGGTCATCAGGTGGTGAAGATGGATATGAATCTTTGCCAAAAGA
CGGTTGGTCACCATATTTTCTGCTCCGAACTATGGTGGAGAGTTTGACAATGCAGGTGCTTTATTGAGTGTTGA
TGAATCTTTAGTTTGTTCTTCGAGATATTGAAACCCGAGCAAAAAGCATCAGGAAGTAGTTCGGGAGTAATT
CTTAAAAAGCCTCCCAAAATTGGAAGATCTTGATTACTTTGAGGAGTGTTCTTTTCGATCTTTGGAAGATGAA
AATCAAGCTCGAGTTGTTTTGAAAAGGCAGAGTTGTTTCATGCCCTGTAATCATAGTTTTCAAGCTTGTAATG
ACCTTGCCGGAGGTATGTCGATCGAGGCTGTAAAAATTCGAGTATGTCCTTGTCGGGTAGCCGAACAGGTAG
TAGATTTAGTGGTCTCCAATGGGTTGGCTAATTGGAGTGCAGAAGTTGTGTGTGTAAAGATGGAAGGCAAT
GGTTCAGAGTTATTTTGAATGACTTGAAAGAGATTGCTTCTTCATGGTGATTATAAGTGATTGACTGAATT

TCTAATTTTATAAATAACCTCTTGAAACCTCTCCTTTTTCTTTTCTCTTTTAATTTGATTAACTTTCACTTATGAC
CCCTTTTCCTCCATAATTTACGACCAAAACCATAATTTACAAATATCTTTACAATAAGTGTGTGTTTGAGCGT

>trans_s_4102 NM_001061301|Oryza sativa Japonica Group Os05g0170000 (Os05g0170000)
mRNA, complete cds

AAGTCACTACCAGAGTTTTGGCGGGATCGTCCATTTCTAATGATCCATCCAAGGAACACAATTGCATACCTGA
TGAACATTATGTTTCAGACTTTATTGGCTCAAGAAGGACTTGAAGAAGAGCTCACCCGAAGATCACTGACATAT
TCAGCATGGGATCTCTCATACTCCAAAGACCATGAACGCCGTAAGTGGCATCCTGTAACATACAAATTTTCAGA
TGCTACGCCTGATCTAATACAATCTATAAAGGGTATTGATAATATATATTATGAACTGAATATCGACGAGAAT
GGGGTACTAGTAAGGGAAAACCATCCAGATGTTTTCTTTTCGCGAGGAAGTTCACCCGTCCAGCTGCCCTCCG
CCTTCTCAATATGTCTTTGCTTGGAGTGAAGCCTCATTAATATTTGTAAAGGCATCGATATCTCGGTGAGGAA
CATGCTACGAGCATGAAGAACTACAACTCAGGCCCCGATGTTAGCAGTCACACGGAATAATTTCTCGATATA
GAGGTGTGTATTTACTATTACCACGGTGTATATTGTCAATTTTTCTATACATAAAAAAAATGAGTGATAGAGG
ATTGTTTTAATTCACCTGTTGTGCATTATAAAGCTAATTCTAGAGAACTAATAGCATTAGGAGTTTAGGATG
ACCCTACTGATCTATGAACATTAGGAGTTTGAAATTATAACGTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4103 NM_001065838|Oryza sativa Japonica Group Os07g0252400 (Os07g0252400)
mRNA, complete cds

ATGAGGAGCTACTATCAAGGGATTCTTCTCATGAGGATGACGGTTCAGGATATTAGAAAAGATATGCTGGCC
GAGTGACCAAGGAAATTCATTTTGAATGGTTCGGTGGCATTATTTATCCCTGGAATACCTGAACTTATGCTA
TTAAAGCTTTATGATCATTACTCGTTCCTGTATGGACCCGGATGGAATATTTATGACGAATGCATAACCATTTTT
ATCCAGGGAAAGCAAGCAAGTGCACATTTTACTGCATGCAATCTCAATGTTGGCAAGAGATCAAATGTCCAT
TTGCCTGCACCAGGTCTTTGTAGCCTTCCCGATTACTGGTGGCTAGAAACGATTTCTCGTGAGAATAAGTTTGT
CCGGTCTTGCTGCTTATGGAGTGCCCAAGCACACGGGTCTTGAGGGCCAAATTACAGTTCAAATTTCTTCTCCC
TGGTGTAAATGGGTTGAATCAATCATCGAAAATACATCGGCCAACATTGGACATTTGCAGAGAAGAATAGCT
TTTTGGAATTTCAATCAAATGAAGCCGAGATCCTAACCTACTCCCAATACCAACTTATGTAGTTTGTGATAGATC
TGCATCAAAAGATCGACCAATTTTATCAAACTGTATGAACTATTTTCATTGTATTGTCTGATAAAGCTGATGA
AAGTTGTGTTAATATAAAATTATATGTAAAATAGGAACCTGCTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_4104 X59970|B.napus mRNA for 3-isopropylmalate dehydrogenase

AATAAGCCCAATAACCATTCTATTCCCCATTTCCACACTTGGAGACTTTCAGCTGACTTCATCCATGGCGGCTGC
TTTGATCTCAACGCTAAGCCTTTCAATCTTTGTTCCCATCTATTAGGCTTCCAAAGTCATCGCCGTCTCCTTC
CGAGTCAAGTGCTCTGCCGGGACATCCCCTTCCAGGCGCTATAATATCGCCCTGCTTCCCGGCGATGGCATTG
GCCCCGAAGTTATCGCCGTCGCCAAGGATGTTCTCAACTTGTCTTGAAGGGATTGGATTGATTGATTG
AAAGAAATGCCTGTGGGTGGAGCTGCGCTTGATTTAACCGGGGTTCCATTGCCAGATGAGACGCTTTTAGCA
GCAAAGGAGTCTGATGCCATTCTATTTGGGGCAATTGGAGGTTACAAATGGGATGATAATCCAAAACATTTGA
AGCCAGAGACTGGGTTGCTTCAACTTCGGAAGGTCTTGGAGTGTTTGCTAATTTGCGGCCTGCAACCGTTTT
TCCCCAGTTGGTGGATGCTTCGACTTTGAAGAGAGAGGTTGCTGAAGGTGTTGATCTCATGGTCGTAAGGGA
ACTACCGGAGGTATTTATTTTGGGCAACCAAGAGGTTTTAAACCAAGTGAATGGGGGAAGAAATTGGATT
AATACTGAAGTGTATGCAGCACAGGAGATTGATCGTGTGCTCGAGTGGCATTTAACAATGCTCGGAAGCGTC
AAGGA

>trans_s_4105 AC215397|Solanum lycopersicum Tomato chromosome 2, C02HBa0155C10, complete sequence

ATCAAAATGAAGTACAAGTTCGGTCAGTGTTAAAGCGGCTGTTAAACAAAGCAAATCCTGAAGAATTGAGCG
TGCTGCAGACCATATTCTGCACAGATTTCGCAAACCACTGAATTGAGAGCAGAATTTGCATCACTGATCAAAGA
GAAACAAGATAAGTGTAGATAGATAGTTAAGTAAAAAGATATAGTAGCCATCATTCTTTCTAATTGAAGCTTT
ATTAGCTCGTTCTCGGTCTTTTATCGAGTCTATTCTCTCTCTAACGATTCATAATTGGAATGGGAGATCCTAT
TCCTAGTTTGGACTTTGTGCACAAGTTAAATTATCTGCTGGCTTTTCAGCTAGCTGTCTGAGAGTTGCTATTGTA
CTGGCTCAGTGCCATCCCGACATTGATCGCGATTGATATGATTGGTGCTGCTCTCGTCGTAGGAAATGCTGCT
AGTTTTGCTGACTATATGTGTAATTGTCAGTCTTACTCTCACCAATTCCATTTACTACTAGGATATTGGTTTACC
AGAGTCCAGAGCTTGTCTTATTCTCTCTTTGATCTTTGATTCAAACCTAGCTGATTCTGTAACCTAAGTGCTAGTG
GTATCAGATTGGTATTGATGAGTCTGGTTGCCATTTTTGACCAATATTCTTTTATTGAGCAACAAACAGTGCTA
GATGTCAATGTATAGTTTGACCATCCTTATTATTAATTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_4106 EU373029|Gossypium hirsutum gland development related protein 38-like mRNA, complete sequence

GGGGGTACCATTTCATTTTGCATTTGGCTTCCTCCATTCAATTTCTTTTCTATACCTCCGAAATGGATTCTCCGA
TCTCCTTTTTCCAGTTGAATACTGGTGCTAACATCCCCTCCATCGGACTCGGAACTTGGCAGGCAACTGAAGGT
CTCGTCGGTAACGCCGTTGCCGCCGCGCATCAAGATCGGATATCGACATATTGATTGTGCTCGAGACTATGGCA
ACGAGAAAAGAGATTGGTTCAGTTCTCAAACAGCTTTTTGAAGAAGGTGTAGTTAAGCGTGAGGATTTGTTTAT
CACTTCCAAACTCTGGTGTACTGATCATGCTCCAGAAGATGTTCCAGCAGCACTTGACAGAACCTTGGAAGATT
TGCAGCTTGATTATCTTGATCTATACCTTATCCATTGGCCAATACGGTTGAAACATGGATCTACTGGCTTGGCC
CCTGAAAACCTTTCTTGCCCCAGACATACCGAGCACATGGAAAGCCATGGAAGAACTCTTTGATTCTGGAAAAG
CCCGAGCTATTGGTGTAAAGCAATTTATCCACCAAGAAGCTCGAAGATTTGCTGGAGGTAGCTCGCGTTCCTCC
AGCTGTCAATCAGGTGGAGTGTACCCAGGATGGCAGCAGGACAACTACGTGAATTTTGCAAATCAAAGG
AATTCATCTAAGCGGATACTCCCCATTGGGTTACGTGGGACAACCTGGCTCAAGGGTGGTGATATTCTTGAA
AACC

>trans_s_4107 Novel Gene

CGTCGTGGTTGAAGTCGTAACCGATTCAACTAATCAAGATGAAGGAAGTCCAAATCGAAATTCAAATTCGCGG
AATTTGGATCAAGGAAATGAAAGAACAGTGAGAAGAGGAGAAGAATCTGTGGGTTTCGATTAGGTCAGTTTCA
GAGGATTATCAGTTGTCTCCATATGGAAATCGAAATCTCTCTGTTGCAGATATATTGAGCATCAACCACGAAG
AAGACGAGGAGGTTGAAGCTCCTGTGGATTACCAATGGCGGCGGCAGGTAGTGGTCCGTCAACTGGCGGG
GGGAAAGAAACGGAAAAATGCAGAAACAGAAACGGCGTTTTGAATTCCGCCGTGAGAATGTGCATTTTCATCT
GGAATTTTTTCTTTCGCAAGGTATGCAAAAAGGGAAGAGTTCCAATTCACCAATTTGACATTAAAAACAAGAAA
TCAAAGAATCAAAGAATCAAAGAATCAAAAAACAAAAAATGATTTGGCAAAAGATCTAAGAAGAAATTTCTT
CTTCTTCTTCTTCTTCTTTTTTCTCTCTCTCTCAAAGTCAAGATTGTCGGTTTGGAGGGTTCTGATTTGGGCC
ATCTGGCAATTTTCGAAACTTATAGAGTTAAATATTAATGATAATAGAGTACTAAAGTTAAAGGCTATTGTAAC
TAAAGAACTTTAATTCTATAGATTTGAATTGTACCAATTGGATTGGTCTTTCATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_4108 XM_002871795|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH-ubiquinone oxidoreductase 19 kDa subunit family protein, mRNA

AGGGAAAAAGAGAAAAAAGGGGGAAACTCTTCAGTTCATCGGCAGCGTGTAAGTTAGTATTTCTTAC
CCTAATACTCTACTATCAGGTCTGCATTTCTCTCAGATTCTCACTCTTAGTTTACGGGATTTCGACCTAGTGGATT
GAAAGAGATGGCGAGCGCTGTAGATGCTGCAGGAGATCCTATTCTACATCGGCGGTGCTAATGTCCTCCTCA
AAGCACATTGCGATTAAGTGTGATCGGAGAATGTGGCGTACCTCCAGTGCAAACAGAAGGATCCCAACCCG
GAGAAATGCCTGGACAAAGGCCATCAAGTCACTCGATGCGTCCTCTCCCTGCTTAAAGATCTTCATCAAAGGT
GCACGAAAGAGATGGATGCGTATGTTGGGTGTATGTACTACCATACTAATGAGTTCGATTTATGTCGCAAAGA
GCAGGAAGCATTGAGAAAGGTTGTCCCTTGAATGATCTTCATACATGTGAACTGTTTCCAATAAAAAATTTCT
TGTTTGCAAATGAGCAAGTACTGTTGTTATCCCTTCCCTCTTTGAGTTAACCTTATGTTCTTCAAACAATCCA
CTACTTTGTGTATGTCTCGGATTGCGAACCCGATACATTGTTGCAAACAAAAGATAAACAAATCTTTTTGCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4109 AY389729|Hyacinthus orientalis At1g67350-like protein mRNA, complete cds

TCATTCTTCGAGTGCATTTTCTCCCGCGGGTGAAGTTTCACTTACTGAGGAAGAAATCTCAATTTGTGCAATCG
ACTTTCAAGGAACATATTAGAAATGAAGTTCATTATGGAGTTTGTCTGAGGATTTGGTATTGAGACTTATGGAG
GATCCAAAAGAGAGGGATCGCAGATTCAGAGAGCACGTATATGCGGTCAAGGATCGGTGCCAAAAGACGAA
GGAGATGTGGAGCTTACCTCTTCGTCCTTATGGATTTTGGACGTTTGACCGCCACAATTCTCAGCTGAAGTGG
GACCCACAAATTAGTCAAGTTCCTGGTAGGAGGGATCCTTATGATGATTGCTTCAGGACTTCAACAATAACTC
CAAGTGATATATGAAGAATATTTGCAAGAGCTCCATATTTGGTGGTGGAAGTGGGAAGCTCTCAAGCAATTT
GTTTGAACCTTTGTTTATTGCTGTTTAATTTCTCGTGCTGTTAAGGAAGCACTTTGTGGGTTTGATTGTCAAAC
AGAGATTTTGGTGATGGAATAAACGTGTCTTTAGCTCATAAGACTTGTATTTCAAGTTGGTGAATTTGGGGA
ACCGATCCCATCATTTTGTATTAGTGTGTTTATGTATACATCACTTGGAAATTTCTTCTTATAGTTTATATTGATATC
AACTGTGATTCATGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4110 AY039587|Arabidopsis thaliana AT4g29480/F17A13_300 mRNA, complete cds

AGCTTTTCTTCTCTCTCTTCCGCACAGTCTCGGAGCTCCTCTTTCTTCTCCTACTAGCGGCCAGAGAAAAGCAG
CCACTTCCATTCTCAATCTTCTCCCTCACCGTCACTTTCCCTATTCTCAAAGTTTTCTTTAGCTTTGTGTTGAAT
TGATGGCGTCCAAGTTGCATCAGTTGCAATCCAAGGCTTGCAAGCTACTCAATTTGCTTGCAAACACGGGAC
TTCCTATTATAAGCAGTTATTGGAGCAGAACAAGCAATATATCCAAGAGCCAGCTACTGTGGAAAAATGCAGC
TTGCTTTCAAAGCAGTTGCTTTATACTCGGCTTGCTAGCATCCCAGGTCGTTATGAATCATTCTGGAAAGAACT
TGATTACGTGAAAACTTGTTGGAAGAACAGACAGGAGCTGAAAGTTGAAGATGCCGGCATTGCCGCTTGTT
CGGGCTGGAGTGCTTTGCATGGTTTTGTGCCGGTGAGATCGTAGGAAGAGGGTTTACATTACAGGTTATTAT
GTCTGAGATCGTCTCAGTGATTTATGGAAGGGACAATGACAATGACAATGACGAGACTTCCCTTTTCTTTCT
GGCGGGTACTCCGCATACAATTTTTTTTCTTATTAATTGAGGATTCTGTGAGCAACACTTAATAGATTTAATAAT
AATCAACGAATTCCGAGGGACCATGAGGGATCCTAGTGGTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4111 NM_111058|Arabidopsis thaliana yrdC family protein (AT3G01920) mRNA, complete cds

GCGTTCCAGGTGGGAAGTTCTATCTATGAAATGTGCTTCCTCTCCGATTGCAGCTTCTCCCTTTTTTTTTTATGC
TTCTCAGTTCCTAATCCGGCGATGCACTGACGGTGATCCCCAATCCCCGAAATGATCATCAATGTCAGATCC
AACCTACATCCTTCTACTGCTTCTTCTCTCTTCCCTTCGATCTTTCGCGCCAATACGCTTCCCTTCGCTCCATC
TGCCAGTCGTTTCGACGGTTTTCGAACTTCACGTCGCCTCCAGGTCCTCGCCATGGTTGTCAAGCGGAGCCCTA
AGCGCCTCAAGTACTCGGCTCCACGCTTCACCAAGGAAGGGAGCTTGATATATGTCAAAGCTGAATCAGGAG

AGGATGGCTGGAAATTAGATCCTATTGTTAATCTTCTAAAAGAGGGTGCAGTTGGGGTTATTCCTACTGATAC
TGTGTATGGAATTGTTTGTGATCTGAAGAACCCCTCAGCCATTGAACGAATGAGAAGGATCAAGAATATAGA
GCCTTCAAAGCCTCTGAGCATTGTTGTGCCACTCCTCCGGGACATTGATAAATATACTACAGGGTTTCCTCGTG
GTGATGGCCAAGGTCATTCAAATATATTTTCGCATGGTTAAGCATTGTCTACCTGGACCAGTGAGTGGTTCTGCT
AACCCGGCCTTATGACGATTAGCTCCATATTATCCCTCCTTTGGATTACATGGTGTCCCAAATGACTCTAGT

>trans_s_4112 BT025303|Arabidopsis thaliana At1g31335 mRNA, complete cds

CAATCAATTAAGCATTATATATCCAGCTGTTATTTGAATGGTTGTCTCTTTCTGAAAAAGTGACCGTTGAAG
CTTAACGTTAAGCTGACCGTTGATGGAATTCGAGGATATATATATATATCAAACTTACTTTTCTTCTGCTG
ATAGAATCTCAAGGCTTCAAACACACAAAATTAAGAAAGAAATCCTTCAAGAATAAGCCTAGTTCTTCTCTT
TCGTCCCTTTTTTCTGTATATATAATCTCATCTCACACATATTCTTCTTCCATTCAACTCTCTCTCTCTCTT
TGCTTGTGATCAGAGATGGGTTTGGTGGTGGTGTCTCTCTACCATTAAATTTCTTCTGCTTGTGCTTGGTTT
GGATGTTACTTTCTAGGTCGAGCAAAAGGGAGACAAGACATACGGACTAATGCGCAGATATTCGGTGTTCCT
ACGCCACCACCTGGTAGTGGTGCAGCTCATTCGCCATCGTCACAGCAGCCGGTTTCAAACCTGAAAATACCA
CCAATGTTTGATTAGTAGTCAGATCTAAGTTCAATCTTCACTGTACTACTGTTTGTGACTTTGTGTATGTAAAT
TCTGTGCTATGAGTTTAACTTCAATACTCTATGGGTGAATCATTTTTCCAGTTATATTGTATGTCCTACAAGTT
TTTGTGCATTAAATCAAATAGACTGACCTTCAAAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4113 BT026064|Arabidopsis thaliana At2g18860 mRNA, complete cds

TGTGTTGAGGCATCATTACGTGAATATTTTATTGAGGAAGGGAAGCAACCTCTTAAATGGGTAAACCTTAATG
AGGAAGAACGTGATGATTTAGCTGCATTTCTCACTGGGACAACACCTACTATACGAGGTCCAAAAGATGAACA
CCTGGAACCTGTACCTTCTTATGAAGAATCTATTCATGAGACCTGTAATAGAAGACGAGAAGCAAGCAGTAAC
CAGAGCAGCTTAGATATTAGCGATAAGGTTGAAGAAATTCAAGATGCACAGTTTGTGATGAACTTCAAGATA
ATGAAATTTACGTTCAAGGGATGATGTTGTATGCCATACAGAGAGGACAACCAATGGTAGAAGAGTGTGGA
GTTACCTAACTTTGATACTTTGACAATTGTTATTCCTGATGAAGATGAACGGAGAAACCAATGCCAACGGTG
GAGCCACACCTAAAGAAAAAGGATCCAGAACAACCTCTGGAGGCAAACCTGGACGGGAGTTTCTCCAGCA
AAAATTGCTGGTCATGTATGCAGTCAGCTCTTTGCTAGGTTTCTGGTTTCGAGACAATTCCAGAGTTCAAGGAA
TCTGCAGCGTGGTTGCTCAGTTCAACTTACACTTGCTCTGATGTTAACAATTTCTTATTGGTGCCCTTTGTACTT
TATTCAACTTGACAGTTCTGTATGAGACATCTACAATATAGCAGTGGTTACAACAACAGATTTAGATCACAAGC
TCTG

>trans_s_4114 AL161560|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 60

AATTAAGCATCGACGACGGAACCTATGGGCGGCTCCACCACACCACCTCCACCCTCGCCACCTCACTCCTCT
TACTCTTCTCATTTATCACCCTTTCAACCGTCTCTTTGCCGCTGTCTACGCCGCCGCAATTTAGCACTCTTCT
ATCACCATCTCTTTCCATTCTTCGAAATTCCTCCATTTATCTTCTTAATCTCACTTGCCCTACTCGTAGCCGAT
TTCAATTTGGCCTTTATGTGGGTTGCGGGGCAATCTTTTCGGATGATCCCCGTCCGCCGTCGAGAGTTTCCAGA
GAAATTGAAACGGCTAGCAGAGGAGGATTTGATTTTCCGGCGGTTGATGTGTTTATTTGCACGACGGATCCT
GACAAGGAGCCGCCGATGAGCGTGGTAACTCGGTATTATCAGTTGGGAAGATCTCCGTCTATATCTCCGACG
ACGGCGGCGGCGAAGTTCGCTAGACATTGGGTGCCGTTTTGCAAGAAAAACGACGTCGTGGAGAGGAATCC
CGAGGCGTTTTTTGCATCTACTAATAATGAGTTTTTGAATTTTGTATACAGACAAGATTAGGGTAATTAATTA
TGTTTTTCTCCTCTCTTCTTAATGGAAATTTATTCATTGTTTTTAATTTTGAATATTGAAATTTATTTGGAT
AAGATTTTATTTGGTACCAAATTACTAGGTACATGAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4115 XM_002871116|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein synthesis initiation factor eIF2 alpha, mRNA

ATTCCCCTCGAGTTCACACAGCTTTGCGACAGCGTTTCTTCACTCGCCGATTCTCCCTTTTCACTTGTGTCGATC
TTCTCATCTCCCTCAACTCGCCGTTCTCTCACCGTCGATCTCCCTCACGGCAGTTCTCTCATTGCAGTTCATCGAT
TTCCGGTGGTAGTGAGTACAAACACCAAAGAGCCTTTGACCATGGCTTCCCATTCCCCTAACCTCGAGTGTG
GATGTACGAGGCAAAGTACCCAGAGGTGGATATGGCTGTCATGATTCAAGTCAAGAACATCGCCGATATGGG
CGCCTACGTCTCCCTTCTTGAATACAACAATATCGAGGGTATGATTCTTTTCTCCGAGCTGATATTGAGATGAA
GTGTTTCCAATTTGATGGTGTCTTTCACATAAAGGAAGCAATGCGTAAAGCTGAAGCTGCTGGAAATGATGAT
TGTCTGTAAATTAATTGGTTGCTCCTCCACTCTACGTCCTTACTACTCAGACACTTGACAAGGAGCAAGG
AATCACTGTTCTTGAAAAAGCAATTGCTGCTTGCACTGAGGCAATTGAGCATCACAAGGGAAAGCTTGTGGTG
AAGGAGACACCCAGAGCGGTAAGTGAAAGAGATGACAAATTGCTTGCTGAGCACATGGCGAAGCTACGACA
AGACAATGAAGAAATCAGTGGAGATGAGGATAGTGAGGAGGAGGAAGACACAGGGNTGGGGGAAGTCG
ATGTTG

>trans_s_4116 XM_002889786|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata clathrin adaptor complexes medium subunit family protein, mRNA

CAAGGAGCGAAGCACTGCAACAAATGTTGAGATCGAGTTGCCTGTGCCAGCAGATGCCACCAACCCGAATGT
TCGGACCTCAATGGGGTCTGCTTCTTATGCACCAGAACATGATGCATTGTGCTGGAAAATAAGATCGTTTCCA
GGTGGCAAGGAGTATATGTTAAGGGCAGAGTTTCGCCTTCCTTCAATTACATCTGAAGAGGCAACTCCAGAGA
GAAAAGCGCCAATTCGTGTAAAGTTCGAGATACCATACTTCACTGTTTCTGGAACCCAGGTTTCGTTACCTGAA
GATTATTGAGAAAAGTGGGTACCAGGCTCTCCATGGGTGAGATACATCACAATGGCCGAGAGTATGAACT
AAGGCTCATATGAAAAATCACTTACTTTGATTTATAGACATTTTCGTTTTGCAGAGTTCATATGTCGTGAATTAT
TCAGTTAATAATCACAGGATGAGTTAAAAATTTGTTGTAGAGGATTTGGTGGGGAAAAAGAGAAAAA
ATCTGTTTTTCTACTCTTCTTTGTTGTGAAGCATATTGCAGCTTTTGTAAAGTTCATAGTAAGTGAAGGGTT
TCTTTTCTTTATTTTCTTTTACTACACTAGGTGGTCTGGTTGAATTCTGTTTTGATTATATTACTTTCACT
AGCTCCATTTCTATCTGTTTAATTTGTTATAACCATTGTCATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_4117 CP000596|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 16, complete sequence

TCCAATCGGAGAGGATGAAAATTCAAAGAAACCCGAAACTGACAAGCTGGAGCACGTTAAGTTGAGGAGAG
AGGTATCAGAGGCTGAAGAGAATTCACATGATTTAGCAGTCAAAGTATGAGTGGTACAGAACCCCTACTGAGA
AGCAAGGAGCACCGGATGAATCTGCAGCATTGCCAGTGGAGAAATCAAAGTCTAATGATGACCTGATCATCC
AAAACGAATTGTTAACCGATGAAGACAGACAGCAGACGGATGAGGTGGAGAAGGTGCTGGAAGATGAGTG
GGACAACCACCATGCTAGACGAGCATGTGATCAATCTGCAGAATCGCTAGAGGAACTATCAAAATCCTACCAT
GATGAGAACATAAAAAACGAGATGGTAACCAAGAAAAATGAACAACAACTGCAGATACGAAAAACAAAT
AGCAGAAGATGTGCTACAAGACCTATGTGTACTTGAACATACCCCATCCTACAAGTTAGGTAACCAGGCTAAC
GAGTTACGTGCTGCTGGGGAAGCAAAGTCTATCGAGATGGGTGAAGTGTCCCTACCTGCCTCGCCGAATGCC
AGCCGGAGACGGTGGACAAGCATGATTTGGTAAGAGACGGAGAGATGAACGAAAACTGGTTGAAGAAAAAT
GAGAGAATGAGAGAGATGGTGGAGAAGTTAATGGAGGCTGGCAAAGAACAGATAGCCATCATATCTAACT
GAGTGGAAAGAGTGAGGGACTT

>trans_s_4118 NM_001062675|Oryza sativa Japonica Group Os05g0533400 (Os05g0533400)
mRNA, complete cds

CTTCTCTCATCTTCAACCTCTTCAGCTCAAACCTTCTCTTCTCTCTTCCATCTTCCTCTTTCTGCTCTTCCCATTCT
TCTTCACGACCATGGCTTCATCCTCAGCCTTCGTCTTCGTTGTTCTCTTAGCTTTAATCGCCGCCTCTCTTGGCCA
AGCTCCGGGTGCCGCACCGGCTCTTCTCCAACCAATCGCCGCCAGTCTCCTCTCCTAAATCTGCTCCTCCACC
AACAGTGGCCACTCCTCCATCTTCATCCCTCGCTCCGTCCGGCTTTGCTCCCTCTCCTTCCACCATAAATTACCA
CCAGCTATGGCTCCGGCTTCTTCTCCACCAGCTCCACCTACTGCTCCTTCCGACTCACCAGTCATGACTCCGGTT
CCATCTTCTTCCATCTCAAATCCTCCTGCACTGGCTCCGTCCGCAACCTCCACCCCTGGCAATGGCGCTTCCGTG
AACAGAATCGCCGTCTCTGGATCTATCATAGCCGCTGTAATTTCTCCGCTCTACTATTTTAAAATGCAATCAGT
CTATCTTCACTCTTCGCTTTCCTCAGGAGACGCAGATCTTAGGGTTTCATTGTCGGCATTAGTCGTTGTTGTAGT
TTTCTTAGTATATTTTTTATTTTACTCTTATTTTTGGTGTACTTAGGAACCGAGAGGATTAGACGGTGGCCGCTT
GATGATTATTGTTATTTATTTGAATTTCTTTGTTTTATTACCGTTCTTTAGTCGATTT

>trans_s_4119 AJ224640|Arabidopsis thaliana mRNA for FKBP-like protein

AACAGGTGCAATTACACTCTACTTCGTGGCCTTCGCTCTCGCTATTAATTAGACAAAAAAAAAACACGAACTTG
TTCTTTACAAAATCGACTTGTGAGACCTCTTTCTCTAGAATCTTCTTCGATCTTTGAAAATACAATCGAGATTC
ATCGACCCACTAACCAAAAAGGGCGATTTTGACTCGCAACAATTTGGAGTCACTTCGTGGTTATCAGGTGAAG
AAATGGACGAACAGCAGGAGCATCAGACCCATAATCCTGGTCAAGATGATGAAATGAAATAGTAGCTGAAGG
TGCTTCAGTTGTGCATGGGGAACCTCCAAGCGATGACAATGGCCCTCCCAAAGTTGATTCTGAAGTAGAAGTT
CTTCAGGAGAAAAGTCACAAAACAGATTATGGAGGAAGGTCGTGGTCAGATACCATCTAAATATTCAACGTGCT
TTTTGCATTATCGGGCATGGACTGAAAGCACTCGGCACAAATTTGAGGACACATGGAATGAACTACGACCCCT
TGAACCTGTATTAGGGAAAGAAAAAAAAAGAAATGACTGGCTTGAGTATTGGTGTGCCAGTATGAAATCTGG
TGAGCGCGCCCTGTTGCACGCGGGATGGGAACTAGCTTATGGAAAGGAAGGAAATTTTCTTCCCTAATGTT
CCGCCGATGTCAGATGTATTGTATGAAGTCGAGCTCATTGGGTTTGATGAGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4120 DQ473580|Ricinus communis plastid Tic40 mRNA, complete cds; nuclear gene for
plastid product

CTTCACGCCTCTCAAATTTGCTGAGTCTTCCAGCGCCATTCGAAAACCTGCTGTCTGCTCTTCTACATCCGT
CGAAGCTTCGACGTCCGACTGAGTCTTCGACGTCTGACCAAGTCATCAACGTCACAGTCCACCCACTCTTCGAC
GGACACAGTCCCACCATCCCCAACAGTCCCTTCGACGACGCCGTAACAATATGAGTGGAAGCCCACAATGGAA
CGGTCACTCAAGAATTCTTTGAAGAACTTTGATCTTAGTAGCCCTGAAGTTAAGCAGCAATTTGATCAAATTG
GGCTTACACCTGAAGAAGTTATTTCCAAAATTATGGCCAATCCCGAAATTGCAATGGCATTTCAAAATCCAAGA
GTTCAAGCAGCCATCATGGATATATTTGCAGATGGCAGATTGGCATTTAATGGATTAAGCAAACTGTAAAAA
AAGGTTGGACGGAGTTCAAAGGAAAGTTTGGTTTTGGAGCCTCTTTGTGATGAGCAAGGAATATGAAGCTTC
CAATAAATGCCAAGTTAAAATTTAGCATATCCTTGCAAAACCTTTCACAACCAATGTCGCTGGCAGTAATGTAT
TTTGTATTGTAAACAATTTGGACTTTGTATATGTATTTAGCATTGTAAAAATTTGATGATAGATAAAACACTCAT
TTTTGCGTTTTATCTTGTTTCTTTTTACTTCTTTGATCAAATGTAGGTTAGTACCCTCAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4121 NM_100363|Arabidopsis thaliana ubiquitin-associated (UBA)/TS-N domain-
containing protein (AT1G04850) mRNA, complete cds

AGAAAATGAGAGAAAAAGAATATTAGCCTTGAGAAAAGCCGAAAAAGAAGAGAGAAAAGAGCCAGGGAG
AAAATTCGTCAAAAACCTTGAAGAGGACAAGGCAGAAAGAAGACGGAGGCTTGGATTGCCACCAGAAGATCC
TTCAACTGCAAAACCTCCGGCACCTGTTGTTGAAGAGAAAAAGATGTCTTTACCAGTTAGACCTGCTTCAAAG
GCAGAGCAAATGAGAGAATGTTTGCATCATTAAGTCCAATCACAAGGAGGACGATGCTAAAGTGAAGAG
AGCGTTTCAAACCTTCTAACTTATGTGGGAAACGTGGTGAAAAATCCTGATGAAGAGAAATTCAGAAAAATA

AGACTTAGCAACCAAACCTTTCCAGGATAGAGTGGGTACACTGAGAGGAGGAATTGAGTTTCTAGAGCTGTGT
GGGTTCGAGAAAATCGAAGGTGGCGAGTTCTTATTTCTGCCAGAAACAAGGTTGACAGGGCAGTGCTAAAT
ACAGCTGGCTCTGAGCTCGACTCTGCTATTAATAATCCTTTCTTTGGCGTCTCTAATTTTCATGTTACAGAGAAA
AAAAAAAAATATTTAGTACTTTTTTTTTTGGGTGTGGAATATGGTCCAGATTGATGTTGATATTTGTCCTTTGGT
GACACTACATTAAGAAAGATTTAGTGCATTTACTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_4122 NM_117747|Arabidopsis thaliana binding (AT4G16490) mRNA, complete cds

ATCCTCAAACCCCCATTCTCATCTGCCCCCTAAACCCGATTTCTCTTCTCGTTTTTTCCCTTCAACCCCCTTCT
TAAATCCGTGTTGTAACCTCCCTTCATCCATCTTCTCTCCCAATTTTTGTTCTTTCTTCTCTCCCCCTACTCCTC
CATTGCCGGTTTTCGTTTTTTTAGCTCAAAAATCCATCCCCCTTCGATCGAAAACCCCTTCGCTTCATGACTCTGA
ATCCATCTCTACATCTCTAAGCCTCTCTCAATCTACAAAAGTTTTGTTGAAGAGAAGATGGACGACATGCA
TAGACGCCAAGTCTATTGAGCCAAGCAAGGAAGAAAACGATGACTCCGAAGATGATGATTCCTCCGATGAGG
GTTCCGATTCCGATGAGTCTAATGAGCTGAGGCTAATTGGGGTTCATCGTGAAGAGCTCTATGATTTTGAAT
ATATATGCTTCTGAGTAGCCTGGCTGGGATTCAAGAGGGAAAGGATGCGATTGTGGAAGAGGGTGGAATTGT
TGCGCTTGTAAGTTGGACTGAGATTGTTTTTTTTAAGGAGGTAATTGTATTATTAAGAAGTGGTATCGTGTA
TAGGGAGTGGTTTTTTTTTGATGGTTGTACAGCTGGTTGAGAATGTTGAAAGAATGAAGATCGTAGAATGA
AGTTAGTGCAGTTAGTAAAGCCAAAAGTTCGACGGGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4123 NM_001084592|Arabidopsis thaliana SEC61 BETA; protein transporter (SEC61 BETA)
mRNA, complete cds

AAGAAACGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGTTAGAATTAGCATTCCCTTCTGAATTCCAATTCCATCTCC
CCATTCCAAACAAACAACCTCTTCTCGATTTTGTCTCAGAATGGCTTTAGGTGGAGGTCCCCAGAGAGGAAGT
GCGGCAGCTACTGCCAGCATGCGCAGGAGAAGAACAACAAGTTCTGGTACATCTGGAGGTGCAGCTGGAAC
AATGCTGCAGTTTACACGGATGATGCTCCTGGACTCAAGATATCCCCCAATGTTGTTCTCGTCATGAGCATTG
GTTTCATTGCTTTTGTGCGGTTCTCCATGTTATGGGTAAGCTGTACTTCGTGCGAAGAGAAGCCTAGAGGGTT
TTCCCTGATAAAAGTGTGATGCATATTTAAATTCATTGTGGCAAAAGTTTAATTTGAACTGAACTCTCGTTTG
TCATTACAGTCAAACTAATTTGATTTTGTACTAGTTAGAATGAAAGAGCTTTTCTGTTCTCTAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCGCCCGGGCCCCCAGAACCTTATTGAACCCCTCAACCCCGGGGGG
GGCCCGGTCCCCAATCCCCCTTAGAGGGTCGAAATAGGGGGGACCCCGGGGCTACCTTTTAAACCCCGTG
GCGGGA

>trans_s_4124 XM_002889446|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAACTTTCCGGTGCCCCTCCTTAATTCTCCAACACCCTGCCTTCCATCTTTTCTCCTCCCTCTCGAGTTGAGCTCC
TTCTCTGCTTTCTTTCTTGGTCTGATAAAAGTTGGAAAGAGTTATGGCCCTATGGATGGAGGATGGTTCGA
ATCCCTTAACAGAGAATGAGAAAGCTGACCTTGACGCCATAGCTGCTCTCAAAGAGAGTTCTGCCCTCGAGTT
CAAGGAAAAGGGGAATGAATTTGTCAGGTTGGGTAAAAGCACTATACTGATGCTATTGATTGCTACACTAA
GGCAATTAATCAGAAAGTCCTAAGCAACTCTGAGAACTCTGTTCTTTATGCAAATAGAGCTCATGTGAATTTAC
TTCTTGAAACAATAGACGAGCCCTAAATGATGCTGAGGAGGCAATCAATTTGTGTCCACAAACATCAAGGC
AATTTATCGAGCTGCTAAAGCATCTTTCCCCGAATTTATTAGATGAAGCAAAGTCCTACTGTGTAAGTGGTA
TAAGGTGCGACCCAAATAATGTAGAAAACAAAAGATTGAGAGGCAGATTGATTCACTGATATTGGAGCAAG
AACACGTGAGGCTCTAGTTACAAAGGCTATTGCAGAGGCAGAGAACTTGTTTCTGCAATCGTGCATAGAG

GTTTTAAGAATGGGAAGGCGGCATATCAAGAACTAACTGGATTAAGAAAGCCGGTATTAGATAAAATAACAT
TCTC

>trans_s_4125 AY062654|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g21200; MXL8.5) mRNA,
complete cds

CTGGAGCTTCGTGTGTCGATCACAATCCTCGCAACCTTCTCGTTCGCACTGCTCATTCTCATCCTACTATCTGCG
AGCTGAATTTCTTATCCCTTTTAACGAATTCGAACAAAAGTATCTCAAATTCGTCAATTCTTAACTCTAGAGT
GATTTTGGAGCATCATCAAATGCATCTTCAAGCTCAAACCTCTACCAATCAGCTCGTACCTTCCGTTATTCCTTT
AAAAGCAACTTCGAAATCCCCATTGCTCACCCAAACGCATGCCGTTCCGTGGAGTTTCGTATCGGGGCTCTGA
AATGTTCTGTTGCGACGATTCCGAGTCGGCCCCGACGGAATGTGAAGCCGTTCCGGCTGAGG
TTTCGAGGACGATCATGGAATTGTCTTCTGTTGGAACGCTTTCTTCTTTGAGCCAAGAGGGATGGCCTCTTGGT
GTTGGCGTTCGTTTCGCTGTTGATCAAGATGGTACGCCTCTTTGAGCTTGAATGAATCTTTGCCGGAGTTCTC
TATCGATGGGAGGTCCAGCCTCCATGTTCAAGTTGGAGCAGTGTGGATTGCGGACTCCTCAGTGTACAATTCAA
GGAAGTATTGGAACCAGACAATCAAATGTTTTGAAGCGACTTCATACAACGTGGAAAAAGAGATTGGA
GAAGACGTGAAGGAAGATCTTTGTATATTGTTGCTGTGGAGAGGGTGCTTCAGATAGATGACTTTGGGGG

>trans_s_4126 NM_001123829|Arabidopsis thaliana UBP1B (oligouridyate binding protein 1B);
mRNA 3'-UTR binding (UBP1B) mRNA, complete cds

TCTGGGGGCGTCTCTCTTCTCTCCATTTTTTCGAGGTCGTTGACACGAGCCTCGTTCCACACCTGTGCCCTAA
TCTATCGCTTTGTCTGGAAAATTATTGTAATTTAAGGCCATAAACCCGAAGAAAAATGCAGCATCAGAGGTTG
AAGCAACAGCAGCAAGCTTTGATGCAGCAAGCTCTTCTTCAGCAGCAGTCTCTCTATCATCCTGGCCTCTTAGC
TCCTCCCCAGATCGAGCCAATTCCTAGTGGAATTTACCTCCTGTTTTGATGCAAGCACTTGCCGCACACGAT
ATGTTGGGAACATCCATATAACAAGTAACAGAACCACTTCTCAAGAGGTTTTTGGTAGTATTGGTCCTGTTGAA
GGCTGTAAGCTTGTAAGAAAGGATAAGTCATCCTATGGATTTGTCCACTACTTTGATCGCAGATCAGCTGCCCT
GGCTATTTTATCACTCAATGGGAGGCATTTGTTTGGGCAGCCTATAAAAGTTAACTGGGCATATGCTAGTAGC
CAGAGGGAAGACACATCAGGTCAATTCAACATTTTTGTTGGCGATCTTAGCCCTGAAGTCACTGATGCTATGTT
GTTTGCATGCTTTTCTGCTTACTCCAGTTGCTCAGATGCGAGGGTTATGTGGGATCAGAAGACTGGGCGATCA
AGAGGGTTTGGATTTGTTTCCTCCGAAACCAGCAGGAAGCTCAAAATGCCATAAATGATTTAACCGGTAA

>trans_s_4127 DQ097725|Arachis hypogaea ubiquitin fusion protein mRNA, complete cds

AAAAGCAAGAACTGTAAAGCAGAGAGAGCCTTCGTCGGCGACATAGGATGCAGATCTTCGTGAAAACCCCTAA
CGGGGAAGACGATTACGTTGGAAGTTGAGTCCAGCGATACCATCGACAATGTCAAAGCTAAGATCCAGGATA
AGGAAGGTATTCCCCCTGACCAGCAGAGACTTATCTTTGCCGGGAAGCAGCTCGAGGATGGGCGAACGCTCG
CTGACTACAATATCCAGAAAGAGTCGACACTACACTTGGTGCTCAGGCTTCGTGGTGGTATTATTGAGCCGTC
TTTGATGGCGTTGGCTAGGAAGTACAATCAGGACAAGATGATCTGCCGCAAGTGCTATGCCCGCCTGCACCT
CGTGCTGTCAACTGCAGGAAAAAGAAGTGCGGACACAGCAACCAGTTGAGGCCAAAGAAGAAGATCAAGTA
GACTGTTGATTTTGAAGAGAGGAAATCTATGCAGAAGTTTATGCTTTGATTTATTTTCTGCATTGCTTATGCCTA
GAACCATTTGTTTTATACTCATTAGGAGTTTGAATTGTTATGTTTTTCTTTTAAACATTCTCGAGTAATTGCGAG
ATGACAAAATAGTAACAAGAATTTAAAATAAAAAAATTGATATAACTCTTTGAATATGTAATAACTACTTTGGGA
AGAATAACTTAAAAGATCATATAAAATCTACTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4128 BT025702|Arabidopsis thaliana At2g31305 mRNA, complete cds

GAGATACGAGCGGACCGACTATTTCCGCGGTCTGCTTGAAATGAAAAAGAGAGGAATTCGCAGTTTCTTCCCT
TTATCCCAATTCTCATTCCGATTACAGATTTTCTCGATCATAGATGGCCAGGGCACCCATGACCGCTCCGGAG
CATTGACCTCCTCCTCCCTTCACTCACCACCACCACCGTCATCTTACCCAACGGTTCTTCTCTCAACCCCC
CGAAACCTAGTGCTCCGTCTCAATCGGAAGAAGAAGAAGGTCTCTGGAAGGAAGGCACCGTCGATAACGA
GTTTCATGCAGAAAAAGAGCTCCAAGAAGTGCTGTATTTTCAAGCAGAAACCTTCGACGAGGACGGCAG
CGATCAGGAGGAGGATGATAATCATCATCATGGAACGGAAACCCTTGCTGCTCTGGGGGAAACGGCGGGG
ATGGTTCCAGTAGTGTCAGTTGATAGTCCGATTGAGATGTAAAGCTGATATTCGAAAGGTTACTGGATTGCG
TGCGTGTGTGTGTGTGTTTTCTTCTTCTTGGGAATCGGGTTGAGTGTGAGATTATCTGATTATACATATATTTTT
GTCGAATTAATTGATGACATTTGCTGCTGGACGCGATATGTTATTTAACTGATCAAAGGGGGTTTCCCTAAAAA
TCGAATCGTTATAGGTGGATGTATATTGGCCACCGTTTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4129 AF389259|Nelumbo lutea 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAATTAATTATCTTTTTTNGGAATCATTTCCATCTCATTCTTCATCAAGA
AATTAACATGTAAAATAGAAAAGAAAGAAAGAAAAAAAAAGGGGAAAATATGTACGTTACAATGCTCCGACA
ATCCTTTGTTTTTGGTACATTGTAAAGTGAGAAATTNCCAACCTCTCTCTTCTCTTCTCACTACACCCACTATTTC
GGCGAAGCTTTGATAATGTCAACTCCAAACAGTCTAAAGGTCTGAACCGGGTTGATAGCGGACCCGGTTGTA
GTAGAAGCCTTTCGTGCCTTCCATTCAATGTAAAGCTGTTTGTCTTGTCCGGTCGATTTCAAGAAGCTAACAAT
GTCACCGGCTTTCAAATTCTTTCTTTCACGAACCGGCTCCATCCTTTCGTCAACACATAGCTTTGGCTGCCACA
AGCCAGTTATCCCTGTGGTAACTTTTCTGACACCTCTAGCTTCAAATTCGAAGGTCTAAAGGATCGATAGGCC
ACGCTTTCACGGTTCGTATTCTGACTGGAAATCAGAATCAAACGAGCTTTTACCCTTTTGTCCACACGAGATTT
CTGTTCTCGTTGAGCTCATCTTAGGACACCTGCGTTATCTTTAACAGATGTGCCGCCCCAGCCAAACTCCCCAC
CTGACAATGTCTTCCGCCCCGATCGGCCACCGAAGTAAGCCTTATGTCCAAAAAGAGGGGCT

>trans_s_4130 XM_002312768|Populus trichocarpa cholesterol transport protein, mRNA

GATGAACATCGCCATAGCGCTTGGTGCCATATTTATTGTCTCTCTGGTCATCACCTCTAGTTTGTGGTGTTCGG
GAATGATTATACTTGTTTTGGCTATGATTGTTATTGATCTCTTGGGAGTAATGGCAATTCTGAAAATTCAACTA
AATGCAGTCTCTGTTGTTAACATATTGATGTGATAGGAATTGCTGTTGAGTTTTGCGTCCATTTAGTTCATGC
ATTTTCAGTTAGCTGTGGCGACAGAAATCAGCGAGCACAGGAGGCTTTGAGTACAATCGGAGCCTCTGTATTC
AGTGGGATCACTCTCACAAAGCTGGTTGGAGTGGTCGTTCTTTGCTTCGCCAAATCAGAGATATTTGTGGTTTA
TTACTTCAAATGTACCTTGCATTGGTCATCATCGGTTTCTCCATGGCCTCGTGTCTTACCTGTAATTTTGAAT
ATGATTGGACCACCATCAAGATATTTGATTAAAGATGATGCTCCTGTGGAACTGAGCTTCTTGTTCATAAGG
CATATGATGAAATATGAAGTATGTCCGGTCCCTCTCTCTTGGACAACCTTTTACACTTTATTTAGACGCACATAA
GCACAGTTAGGTATATCATCTCTAATTTTTCTAATGAAATTCAGAAGTTGGTCTTTCAACATAGCTGAAGTTGCC
AGATGCACAGGAGAATGTATATGTTTACCTACAGAATTAATATATGTGTTTCACACTTCTTACAAG

>trans_s_4131 DQ120069|Picea glauca haplotype 9 ABA-responsive LEA-like protein (EMB32) gene,
partial cds

TAGCCAAATATAGAGAAGGAAAACTTCTCTTTCCCTCTCAACATTCTTCTTCTTTAAGGCATGACTAAGGTTAC
TGGAATAGTCTTTACTTTATAAGGCGAATGAGCTCTTCAATTGCATCTGAGCAACTTAAGGCACAAACAAGTG
CGTCAATGGTGGTTAGGAAGGTGAAGGCAGCTGTGGAAACGAGCTGTTATGATAATGAGGTAGTTGAACAG
AAGAAGACGTTTTGGATGAAAGATCCTAAGAGTGGAAGCTGGATTCCCGAGAATCATTTTGAAGAGATTGAT
GTGGTGGAATTGAGGGAGAACTGCTGGCTAAACCTAAGATTTAAGAAGCTGCTCTAAAACAGCAAGTGAAA
AGCTTCATTTATGTGCAAGAACAAAAGTTCCGCCTTTATCCATCTTATCCGTGCTACTAAATAACACCTACAGCA

AAAAC TATTCTACAATACTTTTCTCTCTCTAATCTGTCACCTTCTATCAATTTAAAGTCTCGTATGAATCCTCTAAA
GTTCAATGGTGTGATTTC AACGGGTGAAAGAAGGGAATCCGAATCTCATCAAGTTTATCAAAGAAAGCAAAT
TGCCAGGTCATAGTAGTTGCAACAAGTCAAGAATGATGAGTTGGCCTACACAAATTAGTAAATACGTACAATT
ATGGACGAAAATCTCAATAGAACTTATTCCTATGATTTATTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_4132 XM_002298425|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ATGATGCGGAGCTGTGCTATGATCTCCGCACGGACACCTTCCAAGCAAGGTATCCTCCACATGGTAGGCGAGC
AATCGCAATCGAGAATGGTGTGCAATGGGAGAGGCTTAGATCACCGCCCATCGATACTCCTCCACACGATCTT
CATGTCTCTGACTGTTTGAACGAATTATGTCCTGGTGACCACATTGAGATACAGTGGAGAAAAACAAAGATT
TTCCTTACGGTTGGTGGTATGGAGTTGTAGGTCACTTGGAAACATGTGATGGAGATGCTAATCACTGCAGCTG
CCATTATAGTGACACTGTGGTATTGGAGTTCAATCAATACACCCCGTTTCGAGATGGAGACTCGCGATCATT
GACCGAAAAGACCATCGAGAGGAAGGCAACGAAGTTGATGGGTTCTACGGAGGAATCAGAAAGCTTTATTCC
GACGAAGAAATTTCAACGTGGAAACAACCTTTGGCCTACAGATGTCTTGAATAGGTAGGTACTTGAGAGATA
AAGTCTAGGGAGCTGGGTGGTCTTTATAGTTTATACCTCTTGAACCTGAAGGAAGCCTATGCTTCTTCCATTT
GTATAAACTAATTATTCTGTTTCCATGATATGAAAAGTGATTTT TAGAAACAGCAAAAAGATATAGGCTTCTGT
TTAGATTCATTAATGTGAAGACCATAGGCTGTCTACTCTCTTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4133 NM_001058134|Oryza sativa Japonica Group Os03g0802300 (Os03g0802300)
mRNA, complete cds

TGGAGAGGCTTGGTGTGAAGCCTGATTATGTTAGCACAGAACGGGGTGTTAATGTACACCGTACAAAAGTG
GATCAGGAGGGAACAGGAAAAGTCTTGGTCAAGAGCAATCTTTTCAGATGTCTCAGAAAGTAGTAGCTCGAA
TGTTGATGAGTTTAGGGTTTGAGGGTGCCACAGAAGTTCCATTGGAGGTCTTCTCCAGTTCTTGAGCTGTCAT
ATCTGTAACTTGGTAGCACTTTGAGAGTACTGGCTGATAGTTACAGAAAGCAGTGTTCCGGCTGTGGATTAC
TCAGGATGTTCTTAAACAATGGGATATAGTAATTTTGGACCCTTGGCGGACATTGTCAAGGATGGTTCCAG
GAATTATGTACGGCAATCCACGCACCATGGAGTCCAGCCACAGTTGCAGGCGCAGCATCAGACCCTTCTTCAA
GTGCCTCAGCAAGTACCCAGACAAATGCATCCCCAGATGCAGCAGATGGTTCATACACAAGCATTTTCAGCAAC
AGCAGCAGCAGCAATTTGTGCTTGAAAAGATGCGAAGACGGCAAGCTGCAACCCACGTGCTGTTATGGAAG
CAAACAAAGACAGACCACTACTTCAAGTCAAGGTTGAAAACACAGAATTGCCAATGGATGGTAATGCCTTAAA
TGCTCTTAACATCAGACATCCACAGTTGCAGTCCGCCAACAGCAAATTGCAGCTATGTCTAATATT CATGCTTC
ACCG

>trans_s_4134 EF684911|Populus deltoides DRT100 mRNA, complete cds

ATCGATTCCGGATTCTGTTACGAAAATGTACCGGCTGGCGGATCTTGATTTGTCGATGAACGGAATCTCTGGG
TTGATTCCGGCAAATATGGGGAACATGCCGGTTCCTTCTACTTTAAATCTGGACAGTAACAGACTCTCGGGAC
AAATACCTCCAACCTCTATTGAGCAACGACGGATTAGGGATTCTAAATTTGAGCCGAAACGGTCTGGAAGGGC
AGATTCCGGACGTATTCACCCGGATTCATTTTCATGGCGCTCGACTTGTCGTTTAAATGCTTTGAAAGGTCCG
ATACCAAATTCATTGTCGTCAGCCAAATACGTGGGGCATTTGGATCTGAGCCATAACCATCTTTGCGGGCTCAAT
ACCCAACGGGTGCGCGTTTGACCACCTGAAGCGTCGTCGTTTACTAACAATGACTGCCTTTGTGGGAACCCGT
TAAGGACCTGTTGAGGAACCGGATCGGGTTAGATCGGAATGGATGGGTCCGGTCTTGGGGTGTGCGGCAAT
GGGGCATGTTTATATTTATTTTAAAAGAAAAATGTGATAATAAAAAATATTTTTCGTTGGATTTT TAGTGAGTGGA
CTGTGGAGGGTGTTCTTATTATTTTAAATTGTTATTATTACTTTTTTTTTTCTTCTAAAATGTAATCTGAATCT
TAGAAATAATTAAATTTAGTTACTTTTTTTCTTTTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4135 U82977|Citrus sinensis pectinesterase mRNA, complete cds

CAAGATTGCAACATCATCGCCCGTGATCCTCCGAACAAAACCATCACCGTCACCGCCCAAGGCCGTTCCGATCC
GAATCAGAACACCGGAATCTCCATCCACAATTGCCGAATCACATCCGCCGGCGGCCTCAGCGGCGTCAAGGCC
TATTTAGGCCGCCCATGGAGGCAATATTCCCGGACGGTTGTTATGAAATCCTCGATCGGAGGATTACATAAGTC
CGGCCGGGTGGATGCCGTGGAGCGGTAATTTTGCCCTAAACACGCTGTATTACGGTGAGTATATGAATACGG
GGCCGGGAGCGTCGACGGCGAATCGGGTGAAGTGAAGGGTTATCGTGTGATTACCAAGTGCGGCGGAGGCT
TCGAAGTTCACCGTCGGGAATTCATCGCCGGTGGATCTTGTTGCCGAGTACGGGTGTGCCTTTCACTCCG
GTCTCTGAATTGGCTTTGTAATTTGTATGTATTATTACAAAATATCAATGATCGTTTAATTTGTTAATTATAAT
TTAATAAAGAAGTTTATCATTAAGAAATTAGATTTTATTATAACAAAAAAAAAAAAATTAATTTTACTTTTCTTT
CGTCTCTATTCTAAAATGATTGGGTTTGACAAGAGAATTACCATTCAAGAGGGGTATTGTATTACACTTTACA
ATGTAAGTTTTTTGAAATAAATGAAATATTATTTGTTTGGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4136 HM363077|Chasmanthium latifolium photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB)
gene, complete cds; chloroplast

ACTCTCACACGGAGAATCATCACGTAATTCAGCGTAGAGGCAATCAAGAAAGCCGCATAAGTAAATATATAAC
CTACAGAAAAGTGGGCTAATCCAATAATCTTGCTTGACAATGGAAAGAGCCACTGGTTTATCTCTCCATCGA
ATCAAATTAGCCAAAGGTGTGCGTTCGTGAGCCATGCTAAAGTTTCAATCAATTCTTGCCAATATCCGCGCCA
GGAAATTAAGAACATAAAGCCAGTAGCCCAAACAAGATGTCAAATAAGAACATCCATGCCAGACTGATAA
ACTATTCATACCAAAGGATTATATCCATTGATAAGTTGTGAAGAGTTTAACCATAGATAATCTCTTAACCATC
CCATCAAATAAGTGGAAGATTCATTAAATTGTGAAACGTTACCCTGCCATAATGTGATGTGCTTCCAGTGCCAA
TAAAAAGTAACCCATCCAATGGTATTTAACATCCAGAAAAGTCCCAAATAAAAGGCGTCCCAAGCCGAAATAT
CACAAGTACCACCTCGTCCCGGACCGTCGCAAGGAAAAGTATAACCAAATCCTTTTATCCGGCATTAAATTTG
GAACCACGTGCATCTAAAGCACCTTTTACTAAGATCAATGTAGTGTGCGTGCCCAAGCCCTACCGCTACGTCGT
CCAACCTCTGTGTATCACGGACATCGTGACCACCAACAAGGTCCAACCTACGAGCTTTTAACTGCAACACCT

>trans_s_4137 NM_001063358|Oryza sativa Japonica Group Os06g0150400 (Os06g0150400)
mRNA, complete cds

CCGTAGTTGAACAACCGAAAATCGGCATTGTCGTCTTCTTCTCCTTTTCTTCAATTCAATCTGGTTTTTCAGTT
GAAGTTGTTTCGATTTTTTTATTTGATCCGGTTCCAACAGATTCTGTAAACAAGATCCTTGTAAGAATTCCAAAG
TTGATGTCATTTCTGTAGCGAAGAACTCTTCTTCCACCATTGTTGAATCCTGAACCCCGAGAGCTTCGTGAGTG
AAGAAGATGAAGCAATTAGTGAGTGTGTTTGTAGTATTTCATCATTGGTTTAATACCGACGTTTGAGTGTTT
GAAGAAGCCATCAGCTGCTGCTAGAAAAGAGGATATTCCGTACATCAAATGCCAAGTCTGCGAGAAGCTTGC
TGCGGAGTTGTATACCAAGTTGAGAAGAAACAAGCCGAGATTGCTCCCAAGAAGATCTCGGAGTATCAAAT
TATCGAAATAGCTGAGAATGTTTGTAACTCTGAAGAAGGCAGAAGCTGATTGGATCTTACAGATCGACATTGTT
GAACAAGGTGATAAGTTGGAGCTAGTGGATCAGAACACTGAAGGACAATGCAATTCAGAGTGCAAGACGATT
GAACGTGCATGTCAAGAGGTCATGGGATATTCTGATACCGATGTTGCTGAATACTTGTATAGCTCCAACCAA
GATTGATTCTTTGGTTAACTATCTGTGCAAGGACCTACCAAATCGTGCACTACTAAACCGCCTCCAGTTCTT

>trans_s_4138 AF170921|Pisum sativum G protein beta subunit mRNA, complete cds

CCAGATGGTAACCGGTTTGGGACTGGTTCTGATGATGGAACATGCAGATTATTCGATATCAGAACTGGGCATG
AACTCCAAGTTTACCATCAGCTGCACAATGATAATACCAACTCACACGTAACCTCCATTGCATTCTCTATATCCG
GTAGACTTTTGTGTTGCTGGATACAAAAATGGTGATTGCTATGTATGGGACACTTTACTTGCAAAGATGGTTTTG
AACTTGGGAAAACCTCAGAACTCACATGAAGAACGAATTACTTGCTTGGGCTTGTCTGCTGATGGAAGTGCTT

>trans_s_4139 DQ199645|Astragalus sinicus isolate AsD243 USP-like protein mRNA, complete cds

>trans_s_4140 DQ381434|Primula vulgaris SLL1 protein (SLL1) mRNA, SLL1-pin-associated 2 allele, complete cds

>trans_s_4141 NM_001059350|Oryza sativa Japonica Group Os04g0430000 (Os04g0430000)
mRNA, partial cds

TCTGACAATAGTTATATTACAACCCGAGTTATGGGAACATTGTTGTTATGTTGCACCAGAATATGCGAGTACAG
GAATGCTGAATGAAAGAAGTGATGTGTATAGTTTTGGAATACTTGTTATGGAAATAATATCAGGACGGAACCC
TGTCGATTATAGTCGTCCTCCAGATGAGGTGAACTTGATCGATTGGCTTAAGAGAATGGTTAGTAACCGTAAT
CCAGAGGGCGTATTGGATCCAAAGCTTGCTGAAAAGCCTACTACAAGAGCATTAAAGCGGGCTCTTCTTGTTG
CATTACGCTGTGTGGACCCAAATGCTCAGAAACGGCCAAAAATGGGACATATTATTCATATGCTAGAAGCTGA
AGATGCTAACTTTAAAGGGGATCGTAAAGGTGGAAAAGACCCAGAGAATTCACATTCAAACAATGTCAATAA
TGGTTTTAAACGAAAGGCAGGCGACAGAATTAGGTGGCAAAAATGTGGACGAACCTACTACTCGACAACGAGA
TATGTGAATAACATCAGCTCAAGTAGCAGTCAACTTTCCAGCTTGGGATTCCCACTACTACTTGCGACTATT
ACTCGGATCCTTCATTTAGAAGATGTCCTACTCGGCCACACCAATATCATTAACAATATGTATAGTTCATCATT
TTCCTGTCAATAGCTCTTCCATAGCCAGTCCTTATACCATTGAAGATAAAAAAAAAAGTCAATTCATCTCTGTCAA

>trans_s_4142 NM_125510|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S19 (RPS19C) (AT5G61170)
mRNA, complete cds

AGAGTTTGAGAAAGGCGGAAACCCTACTTCAGCAATCGGAGCTTTTCCCGCCTTTGCTCACTTAATTCAACA
GCCATGGCCACTGCTAGGACCGTCAAGGACGTCTCTCCTCACGAGTTTCAATTCGCCTATGCCGCTCATCTCAA
GCGATCCGGAAAGGTTGAACTTCCACCATGGGCGGATATTGTCAAACTGCAAGATTCAAGGAGCTTGCTCCA
TATGATGCAGATTGGTACTACGTGAGAGCTGCATCCATGGCAAGGAAGATCTACTTGAGAGGAGGTCTTGGT
GTTGGAGCATTCAAGCGGATTTACGGTGGAAGCAAGAGGAACGGAAGTCGCCCTCCACACTTCTGTGAAAGC
AGTGGAGCCATCGCCGCCACATTCTACAACAATTGCAGGAGATGAACATTGTTGATGTGGACCCAAAGGGT
GGAAGGAGAATTACTTCAAGTGGTCGACGAGACCTCGATCAAGTTGCTGGCCGATTGTTGTTGCCCCATGAT
TAATCAATTACCTCTATTGTTAAATTAGAGACTTATGTTTTGCTGATGAGAAACAATTTCTTATGCGTCATTAA
AATTTTGGATTTAGCTGTTGAAAGATTTTCCAGATGAAGATGCTTACTCTTGTTTTTTCACGGTCTAAAGTTCAT
TACTCTCCCTTTTGTGTTTATAATTTCTTTTCTGGAATTTTTTGAAGAAACATGTTTTCACTTTTTTATCC

>trans_s_4143 NM_115882|Arabidopsis thaliana ADL1E (ARABIDOPSIS DYNAMIN-LIKE 1E); GTP
binding / GTPase (ADL1E) mRNA, complete cds

AGCGAGCACAGTTCTTTTTCTTCATCAGCTCTTCATTCTTTCTCCATTGTTTCGATTCTTTGAACAGTCCTCAA
ATTCTCTCTCCGTACTCCCTTAGCATCAGTCTTGATTTGGGTTTTGTTGTTATCTTTGGTTTCGAGTTGACT
GTTGCGTTGATTTTGGTTTGTTGAGATGACGACCATGGAGAGCTTGATTGGGCTGGTGAATAGGATTCA
GAGAGCTTGACTATGCTCGGTGACTATGGTGGTGGTGATAACACCTTTCTCTCTCTGGGAAGCTCTCCCT
CTGTTGCTGTTGTGCGGTGGCCAGAGTTCTGGAATCTTCGGTTCTTGAAAGTATAGTTGGTCGCGATTTCTT
CCGAGAGGTTTCAGGGATAGTGACTCGACGGCGTTAGTGTTGCAGCTTCACAAGACAGAGCAGGGGTGCGCA
AGAGTATGCTGAGTTTCTACATCTTCCTAAGAGGAGATTTACGGACTTCGCTGCTGTCCGCAAAGAAATTCAA
GACGAGACTGACAGAGTAACTGGGAAGACAAAACAGATATCCCCAGTTCCCATTCATCTTAGTATTTACTCTCC
AAATGTTGTCAACCTGACTCTTATTGATTTACCTGGATTAACAAAAGTTGCAGTAAAGGGACAGCCTGAAAGT
ATCGTTGAAGACATTGAGGCCATGGTTCGAACTTACGTGCGAGAAGCCTAATTGCATTATTCTTGCAATA

>trans_s_4144 NM_001053465|Oryza sativa Japonica Group Os02g0510100 (Os02g0510100)
mRNA, partial cds

ATCGTCTTCTTCTTCTTCATCTTCTTCTCTCACTGTAGAGTTTCTCCGACTATCCTTTCTTCTCTAACACTCTCTC
TGCTTTATCAGCTCTCATCCACCTTCGATTTCTTTCAGTAATAGCGACACCAGATCTTCAGTTTTCTTGCTTCA
TTCCACGGTATAAAAAGTTGGTTGTGCAAATAGAAGAACTAAAGATGAGTATTGGTGGTGAAAAAGGTTCT
TGCATCAACAAAGACACCAGCGGACTTTCTCAAATCAATTCGGGGTCGTCCTCGTAGTTGTGAACTCAACTCT
GGTGTGACTACCGAGGTATTCTTGCTGTCTCGATGGATACATGAATATAGCAATGGAGCAAACCGAAGAAAT
ACGTTAATGGACAGTTGAAGAACAATATGGCGATGCTTTCATTCGCGGAAATAACGTTCTGTACATCAGTAC
ATCAAAGAGGACATTAGCAGAAGGGTCGTCTTAGCAACGGTAAGAATTCTGACAGGAAATGAGAGATTGGTC
GGAATTGGAAATTGATCATGAAATTGTGTTGTGTACAATGAAGTAGTGAATCCAATCATGGCGCCATGATGTT
ATGTTCTTGTGCTTGTGAACAACCTTCGACCAAAAAGTCATGTTTAGTAGAAATGAAATGCAAATATGAACCTTT
GGACCTTTCTTTATTGGAATTACTATTCTGATNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4145 NM_121020|Arabidopsis thaliana BolA-like family protein (AT5G09830) mRNA,
complete cds

AAGGAGCGAGGTCAGTAAAGAATATGGGTGTCACAAAGGAGCAACTCGAATCTACTTTAACTTCTAACTTGA
ATCCTCAACATCTGGAGGTAACCTGATACATCTGGAGGATGCGGGGCGAGCTTTGTAATTGACATTGTCTCGGA

ACAATTTGAAGGAAAAAGGTTGCTTGAACGACATCGGTTAGTGAATGCTGCTTTGGTGGAGGAAATGAAAGA
GATTCATGCTCTTTCCATCAAGAAGGCTCTGACCCCAACAATGGAAGCAACAAGAAGAATCTGAGAAA
TCAAAGTCTGCAGCTTAGAGAATGGTTTATAAGTAAAGTAAGAGCCATTGATAAATAAAGCATACCATAAAGC
CTTTACAGTGATGGTGTAATCCTGATTCTGCTGTACTTGTGTATGAAAGTTTCTGCTTTTGAGTTTGTACTTTGT
TGTGTTTAGTGAGTTTTTTTTTTTTTAAAAATTAGTATCTGTCATTTTAAAACGAAAAAGGAAAAAAAAAATGA
AACATTGGTTTTTAGAACCCATCAAAGACTTAACCTTGTGTCTCTGTTTCTAATACATTTTTGAAACATTAATCTA
AACATGGTCAACCATCAAGTCATGAACAGTTTTTCTAAGGTAGAAAGGTTAAGTCTTTGATGGTAATGTCTTA
GCATTGAAAGCTATTGAAATTGTAATTAATCCTAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4146 DQ351289|*Petunia inflata* cytochrome P450 CYP74C9 (psr2) gene, complete cds

ATCTCATCACCTTCCACTTTCTTCCACTCAGGCATCATTCCAATGGCTACTGCCTCCGCTACCCTCTCGACGGC
CATGTCCACCGCCGCCCCCATCGCCGCGGCTCAAGGCGGCAGAGGCAAACCAATGTCCATTATATTACTGGG
CTTAACCTCTTTGGTGGCTTGAAAGCTCACAACAATGTCGTCTCCTTAGGCCTTCCCGTTTGTGCTGATCAATCA
TTTGCAAAATTGTGAGCTCTTTGAAATACCCATCAAAGGGAAAGGGGAAAAACGGCGGTGGAGCTCTTTCTT
CCACTTGTAATGCCGCCGGTGAGATTTTCAGGATTGCTGCCATTATCAATGGGCTGGTTCTTATTGGAGTGGCT
GTGGGGTTTGTCTTCTTCGGATCGAAGCATCTGTGGAGGAGGCAGAGTGAAAAGCTACCAAAATGGTTGA
TGATGATGAGGATATTGGTCAGTTATCTGAAATTTGTAAGTTAATCTGTTACTTTTACCAGTTATTGTAGAACTC
AATTGTTTCCATCAGTCAAAACAATTGACAAAATTCATTTTGCCTATTTCTATCCCTGCTTTCTCATTACAAAATA
ATGGCATTGTAGTATATTGTTTCATCTGCTTGAAAAAAATGCATATTCTTGTAATTTCTTTTGTGCTGTTTGA
TCATGAGAAGAATAAGAAATGAACTTTGCAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4147 FJ090497|*Pinus taeda* isolate 5437 anonymous locus 2_1728_01 genomic sequence

ATTTTGACCCACATTTTCCCATCATTCCCTTCCCCATTGTTGTTTTCTCTTCAAATTCGCCTTATGACAAATTA
TTTTCCCTTTTAGATTAAACCTTCAAATCTTCTCTTTCTCTCAATCTCCCATGGAAGATTACAGGTACCATGG
AAATGGGTTCAAGTGGAGAGACAATACAGAGTTCACTATGCCACAACTCTCGAAATTTTACGAATTGCGA
TCATATTCTGCAACTTACGCACAAACCCAGATGGAATCAGGGATTCCCAGTTCAAGAAAGGGGAAATCCCATT
CCGGGTCTGTCTCAAAATCTTGGAGTTTCTCGGACCCGAATTTAGAGGAAGAAGAGAGTTGCTAACTACAA
GATGTATTCTGTTGAAGGCAAAATGAAGGGTTCTTCCGAAACAGTTTTAGATGGCTGAAACGTAAATGCGAA
CATGTCGTTTATGGCTGGTGGTGATCCCTCGGATTTGAATTTGGTTGAACTAGCCACAACAAGTAGAGTATC
GTTGATGAAGATTGACGTTTATATACAACGTACACCAGTTCAACCTTAGACTTTGAGTTGTTTCGCTCTTTAGTT
CGATGGTACTGAGAGAATTGCTTTCATAGTGAATTAACCATTTGGTTTCATGCCCTGAACAATGCACATTGT
TGAGATCTTATAACATTGATTGTGTTAATTTATTCATCAGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4148 NM_128052|*Arabidopsis thaliana* AtMAPR2 (*Arabidopsis thaliana* membrane-associated progesterone binding protein 2); heme binding (AtMAPR2) mRNA, complete cds

GGAATGGGACATATCTAAAAATCTTTTGTTCATTGTTTTCTTCGATTAAAGATAAAATAAAAAGGAGAAAGT
GATTGAATTCTTCACTTTCAAGTTGAAGCTACCGTCCGGCGTCCCTCATTCCGATCAATCCCCTCCAAGCTAATGG
AGCTTACGCTCGGCAACTGTTGGCCTACAATGGCACCGACCCATCAAAGCCCATCTATGTTGCTATGAAGGG
CCAAATCTACGACGTCACATCAGGCGGTTCTTTCTACGGCCCCGGTGGTCCCTACGCCATGTTTGCCGGCAAG
GACGCGAGCAGAGCTCTGGCCAAGATGACCAAGAATGAGGAGGACATCACGTCTTCGCTCGAAGGCCTCTCT
GAGAAAGAGATCGGTGTTCTCAACGACTGGGAGAACAAATTTCAAGCTAAGTACCCTATTGTTGGCCGTGTTG
TTTCTTAAACATGCAAGTTTACGAGTTTCGCTGTGTGGTGTGTTGTTGAGTCATCGTAGTTTTTCAAGAAGTATTAA
ATGAATAATCGTTCAACTCTGAATATGGGATTGTTAAATGACTGTAAAGTTTGTGTGCTTGGTTTAATAAGG

GTCTTCAATGGCGGATTGGTATCAGTCTGAACTGCTTGGTGAAATAAGAACTTGCTTACTTATTTAGCTTAGT
TTATTATCAATTATCATATGATTTCTTATGGTTTGGAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4149 FJ362594|*Vernicia fordii* 60S ribosomal protein L31 (RPL31C) mRNA, complete cds

CCTGAAGATCATCTCTTTCTCGGAGGCCAATCTTCGCGTAGCTCAACTCCAGGAGTTTCTGAAGAGCTTTAAA
AATGGTGGAGAAGACCAAGGAAGAAAGGAGGAGGTAGTTAGCAGAGAGTATACTATTAACCTCCACAAAC
GCCTTCATGGCTGCACGTTTAAGAAGAAGGCTCCCAAGGCCATTAAGGAGATCAGGAAGTTCGCTGAAAAGG
CCATGGGCACAAAGGATGTGAGAGTAGATGTGAAGCTGAACAAGCATATCTGGAGCCGGGGAATCAGGAGT
GTGCCCAGAAGAATCAGAGTTCGCATTGCTCGCAAGAGAAACGATGATGAAGATGCCAAGGAAGAGTTGTAC
TCTCTCGTAACAGTTGCAGAAATCCCAGCAGAAGGACTGAAGGGACTTGGGACTAAAGTCATTGAGGAAGAC
GATTGATTTGTTATCTGTTTTCGAGAAGAGGTGGTAAGATGAGATTAGGGTGTAGTTTTGATCTATTGAATGA
AAGAAGACTTATCATGTTCAATTGTAATCTTTGGAGATTTTTGTTTTAGTTAAAGTAATTTATTTACTAAGTTC
ACATGTTTTTGGGTTACATTAACCGATCTTGTTAGCTCATGGGCAAATCGTATCCATGTTATGTAATTTAATCGG
AAGACCAAGAGCATTTTTCTTTTATTGAACTGATGTTTTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4150 XM_002308109|*Populus trichocarpa* histone 2 (HTA915), mRNA

ATGATAAATCATCTCATGAATTCCTCGTTGTAAATATCGAATACAGTATTGCATTCCCAAATACCTAATTCTTC
TTCGTCTACACTTACAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAACCATTGAAGAACAAATCCAACATACCATCAT
AAATTACAACATTCATCCAACCCTAACTCTATAATTCCACCCTTTAAGCCGCCTTCGATGGAGATTTTCCGGCCT
TTGATGGCGATTTCCGTTCTTTCTGACCTTATCTGTCTTCTTCGGCAACAAAACCGGATTGATATTCGGAAGA
ACACCACCGCTAGCAATAGTTACGCCGGCAAGCAACTTTCCAAGTTCCTCGTCGTTCTTAATCGCCAATAGAAC
GTGTCTTGGAATGATCCTGTTCTTCTGTTGTCTCTAGCCGCATTTCCAGCCAACCTCGAGAACCTCAGCGGCTA
AATACTCCATTACTGCGGCTAAGTAGACGGGAGCGCCGGTACCGACACGCTGAGCGTATCTTCCTTTCTTCAG
ATAACGAGCTATACGGCCGACGGGGAAGTGTAGACCGGCTTTGACGGAGCGAGAACTGCCTTCTTCTCTCG
CCTCCTCTTCTCCTCCTGCGCCTTTCTTTGCCTTGCCGCCAGTTTCATTGGACACTGATTAGGTGTTTTACGTT
GAAGAGAATGAAGCTTTTAGTCGACGGGGAGTTATCGGAGTTGTGATTGAGTGAGAGACGGGTTT

>trans_s_4151 NM_001056811|*Oryza sativa* Japonica Group Os03g0390600 (Os03g0390600)
mRNA, complete cds

AAAAACCTATATCTCCATCACCAAACCTCGAAGTTTCTTCATCGCTCAATCGAATCTTCAAACCTCAGAACTC
AAATCTTCCAATTTCTGCTCTACCAAGTTTCCCCGAATGGCTCGCACCAAGCAAACCGCCAGGAAGTCTACTGGA
GGCAAGGGCCCCTAGAAAGCAATTGGCCACCAAAGCCGCCAGGAAGTCAGCTCCGGCCACCGGTGGAGTGAA
GAAGCCCCATCGTTCCGTCCTGGAACCGTCGCACTTCGTGAAATCAGGAAGTACCAGAAGAGCACCGAGCTT
CTGATCCGGAAGCTTCCGTTTCAACGTTTGTTCGTGAAATTGCTCAGGATTTCAAGACCGATCTGAAGTCCCA
GAGCAGTGCCGTTGCGGCGCTTCAGGAGGCGGCGGAAGCCTATTTGGTTGGTTTGTGAGGATACGAATCT
TTGTGCTATTCACGCTAAGAGGGTAACCATTATGCCTAAGGATATTCAATTGGCAAGGAGGATTAGAGGGGA
GAGGGCTTAAGAGGGATTGACTTGATTATTATGTTCTAGATTTAGTTTATGGTGTAATCTGCTGTGTTTTGAT
TTGATGTCCCATGAGTATATTGTAGGTCACATGTATATGGGACTCAACGATCTGTTTGCTAAATGAATTATCCC
TTTTCATTTATTATCTCTAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_4152 AL161588|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 84

GGTAAGAGGCAAATTAGGTTTTCAATTTCCGCCTCGACGAAAAATCCTTCATTTGTTCCGCGCTAGGGTTTC
CATCGCTAACACGTTTCTTCTGTTTTCTCAAATCTCGATCTCTTCTTCTTCTTTTTCTTTCAAATCTTCGCCG
CGAATCCCTTTCCATAGTAGACACACGATGTCTCGTTGCTTTCCTTACCCACCTCCTGGTTACGTGAGGAAGGT
GGCTAGCACCGAGGCGGCCTTGATCGAATCGATTAAGGTTTGTTCAGCTATTTAGTTGGTTTTCATGAATGTA
TGCTGGATTCAATTGTGTTATGATTCCAATTGATTGCGAGATCTTCTGGGATTGTAACTTTTGGATGGGGGT
ATATGTTATCTGTAGTCGGGAAACGGCTTTTCTGAAAAAAATTCGACGATTGGGGAAATTTTACATGTGGG
TTTTCTTGATCGATGGAGACTTAGGGCTGTAAGTTGTGTACCATAATGAATTTTTGGACTGTAGTTTCTAGTTT
AGATCTTTGAGAGTTCAAGTGATAGATTAGTGATTAGGGTCTGCTAGTTGCATGTCGTACTCTTCGTTCTG
GGATCTTGTATGGATGTATTCCTTCTTTAATATCAAATAATTTAATGAAAGGTTAAACTTGAAATTCGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4153 DQ414725 |Cucumis sativus cultivar guonong25 raffinose synthase mRNA, complete cds

CATCCGGTGATCCCAATGGTACATTTTGGCTCCAAGGATGTCATATGGTTTCATTGTGCCTACAACAGCTTATGG
ATGGGGAACCTTCATCCACCCTGACTGGGATATGTTCCAATCCACCCACCCTTGCTGCCTTCACGCTGCCTC
TCGAGCCATCTCCGGTGGCCCAATCTATGTTAGTGATTCTGTGGGGAAGCATAACTTTGATCTTCTCAAAAAAT
TAGTGCTCCCTGATGGATCGATTCTCGAAGTGAGTACTATGCACTCCCGACTCGCGACTGTTTGTGTTGAAGAC
CCTTGCATAATGGAGAACTATGCTTAAGATTTGGAACCTCAACAAGTTCACTGGAGTGATTGGTGCATTCA
ACTGCCAAGGAGGAGGATGGTGTCTGTGAGACACGTCGCAACCAATGCTTTTCACAATACTCAAAACGAGTGA
CATCCAAAACCAACCCAAAAGACATAGAATGGCACAGTGGAGAAAACCTATCTCTATCGAAGGTGTTAAAA
CTTTGTGCTTTACCTCTATCAAGCCAAGAACTTATCATCTCCAAGCCCTCTCAAGATCTTGACATAGCTCTTGA
TCCGTTCGAATTCGAGCTCATCACTGTTTCACCAGTGACCACACTCACCCAACTTCTCTACACTTTGCCCAAT
TGGGCTAGTCAACATGCTCAACACTGGTGGAGCCATCCAATCTGTGGACTATGACGATGACCTGAGCT

>trans_s_4154 AY052212 |Arabidopsis thaliana AT3g50680/T3A5_60 mRNA, complete cds

GCGCGCGAGAGAGCGACTAGGGGAAGCTCGGGAAGATGCTACTATCATCATCTTCTTTACTGCGATCATTGCC
GGTACTCGTCAGAATTTAGCATGTAAACCGGCGAATCCACGGACGGGAGTGAAGGTTACAGGCCATGGCAAA
GGAAGGAAGCGAGAGCGAAGGGGGCATTGCAGAGACGGTGGCTATAGCCGGTGGGTTAGTGGCGACCCCA
GTGATCGGTTGGTCGCTGTATACCCTGAAGACAACCTGGGTGCGGGCTGCCGCCGGGGCCAGGTGGGTCACTC
GGCGCACTGGAAGGCGTTAGTACTTTGGCGGTGGTGGGAATCGTGGGTTGGTCTCTGTACACGAAGACGAA
AACTGGATCGGGTCTGCCAACGGCCCTTTGGGCTATTGGGCGCCGTGGAAGGTCTTTCATACTTGAGTTTG
TTAGCCATCTTGGTCGTTTTTGGGTTGCAGTACTTTGAACAGGGCTACATCCCCGACCTCTTCGGGCCGATCA
GTGCTTTGGTTGACGATTCTTCTATCCTGTGGTTTATGTGGCTGTTGTTTCTCAAACGTGTGAATCGTAGGGT
CTCTGTTTGGTTTTATTTTTCTTCTTTTCTGTTTACCGTATCGTTGCAATTCTGCGTAGAACCTGCCCTGTTCTG
TTGTATGAAATGTGGATTAATCCAAATCATTTACTTTGCTTTGGGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4155 AL161561 |Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 61

ATTGAAGAGGCTGTGGACAGGGACGATGGAGTGAGTGATTTTATTGTTTACGGGGCGAATTTGACATTTGTG
AAATGGGATGAAGCCAATTTGTACGGAGATGGGATCATGGAATTGGATCATGAGAAACCCAAATTTGTGTAC
TACACCTTGACGCGGTGGGAGACGGTGGAGCAGTGGTGGTCATTCTGGGCCAGTAGACGATGGGATCAG
TGGCCGGGACGACCGCGGGAGGTTTGTGACTGTGATTCTGCCGAAAATGAAATGGTGGGGCTGAAAGCTG
AGTAGATGGCCAATGGAATGTTCTTGAGAAACACAAGGAATGAGTCAACAAGATATTTTGAACGAAATTA
AGAAAAGAAGTTATCCTTTTCTTTGTGTCAAAGTTAAGATGATAAACATCGAGATATTTTCACTTCGTTGTGT

GTTAAGAGAGGTACTAGAATAGTAAAAATACTTGGAAGAATAATGCTCATCAACATAATGATGAGCAAAAG
TTCTTAGTAGATTCTCATCATATAGTGCATTTCTAGTAAGTTAATTAATTTCAATGGAATGTAATACATTATTAG
ATGTATCTAATACTTAAAAATATTATTGGATGAAAAATGTGACTTATTAGAAAGTGCTTTGAAACTTTTACCCACT
ATGCATATGTAGGAATTCGTGAAGAAATAAATAAGATTTGTATGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4156 AY062525|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g80270; F5I6.2) mRNA,
complete cds

ACTCTCGCTTCCATTGTTGAGCTTTTCTGAGTTATTTCACTCCCGATATCATCTCACCATGTGGGCTCTTCTTAGA
GCTTCTACTCCTCTCAGGAATCATGGGTATAGAGTAAGAACTTCATTTGTCTTTGGCAAAGTACAGGTACCATA
TTTTGGGGAAGGAAATATAGCTGGTTTTGGAACACCGCTACTTTATCCGACAGATTCATTTCTTTTGAGAGAA
ATAACCTTGCAACATGGCCGTCCTCTGGGATTTGTATCAGTAGTCATGGTCTGTCTACACAAGCTGGTGCTGA
GAACAGTGGAGAGGAAGTTAATATGGAAGATGGATTTTCCGAACTTGATGAAACACATCCAACCACTAGATC
AGAAATTTCTGACGACGATGAGAATGTTGTTGATGATGGGACTCAAATGAACTGGATTTACCGGAGGGAGA
AACTGGACTTGCTGAAAAGATATCTAGAAAAAGGGCTCCTTCAGAGCTGACCAAAGCTATTTGGAATGCTCCA
GCTTTATCTGTCCGTAGTGCATTTGATAAGTGGGTCAAGTGAAGGAAACGAACTAAGCCGGGATGATATCTCTT
CGACCTGACCACTCTTCGTAGACGTGAATGTTTGGGAAGGCTTTGCAGTTTTCGGAGTGGTTGGAAGCAA
GCGGACAGATCGAATTTAATGAAAGAAATTATGCTTCTCGTCTTGACTTGATTGCAAGGGTACAAGGTCTCGA

>trans_s_4157 NM_001065547|Oryza sativa Japonica Group Os07g0175200 (Os07g0175200)
mRNA, complete cds

AGGAAGGAGAGTTCTCGGAAGCCCGAGAGGATCTTGCTGCCCTTGAGAAGGATTATGAAGAGGTGGGTGCT
GAATCAGCTGAGGGCGAGGATGACGAAGGAGAGGACTACTAAACACGTGTTGGCCCGCTCTCTCGCCTCA
TTGTATGTTTGGGAGTGTGGTGTGTGGTGTCTGCTGCATAATTGCAATTTGATTGGGTGTATTTCTGTTTAC
ATGTCATTTTCTTTTATCATCATACTATATGAAATGATGACATTATCATGTGATACTTCTTGTTTCCAAGGCTTT
TATTATTGAACAAACCTATGTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
GGCCCCCGCCCCCAAAATTTTTTAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTTCCCTTAA
AGGGGGTTAATAACCCCCCCCCCTGGCCCTCTTTTTTAAACCCCGGGGGGGGGGAAACCTGGGTTTTCCC
ATTTTATCCCTTTGAAAAATCCCCCTTTCCCGGTGGGGAAGGAAAAAGGCCCCCCTTTCCCTTT
CCAAAAATTTCCAACCAAAATGGGAAAAGGGAACCCCCCTTAAACCGGCCTTTAAAGCGGGGGGGGGGG
GG

>trans_s_4158 AB026498|Cucumis sativus mRNA for ethylene receptor CS-ETR1, complete cds

TCATGAAAACAGCATCCATACAAGTTTTCTGGACTCAAAGTCCTTGTTATGGACGATAATGGAGTTAGTCGGT
CAGTGACGAAAGGACTTCTGTACATCTTGGATGCGAAGTAACAACAGCAGGCTCAATTGAGGAGTTCTTACG
AGTAGTCTCCAGGAACACAAGGTGGTTTTTATGGATATCTGCACTCCTGGTGTGATGGTTACGAACTAGCT
ATACGCATCCGTGAAAAATTTGCGAAATGCCATGAAAGACCATTATGGTAGTACTGACTGGAACTCAGACA
AAGTAACAAAGGAGAGCTGCCTCAGAGCTGGCATGGATGGGCTAATACTAAAACCGGTTTCGATTGATAAAA
TGAGGAGCGTGTTGTGCGAACTTATAGAGCGTCGGGTTCTATTTGAAACATCTCGAAGGAGCAAGAGTAGAC
AGAGAGATATCTAACAGGGAGTTGTGTGTACATAAAAGGCATTGTGGTGATGATCTTGAGAGACAAATTTAG
GGGGCATGCCCAATTTCCAGGTTTCTAACAAACCTGGTTTACCACTTTGTACTAGATACCCAGATAGGAATAG
GAGAAAGAGGTGTGTAAAAACGTTTTGATGAGTTCCTTGAAACAAAGTTAGATGTCATTCTGTACTTTGCTA

ATTTATTTTTCTTTTAATAGAGAATGTAAATATTTTCTTCACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_4159 AY133589|Arabidopsis thaliana At1g55160/T7N22.11 mRNA, complete cds

TCGTCGGAAATGAGCGAAGAAGGACTTCCCAAGCTCTACGCCAACAAACCCACGAAAGCTCAGATCAAACAA
TTTCAAGAACAGCACAAAGCCGGAGACGCTTCTTCTTCAGCATCATCTAGCATGGCATCCGCGTCTTCTTCTTCT
CCTCCACCGCCGCGAGCCTCCGAAAGAATCGTTTGCAAGACGATATAAGTTCTTATGGCCCATGCTTTTGACTGT
TAACCTTGCTGTTGGAGCTTACGTGTTTATGAGGACAAAGAAGCAAGATGAACATGTAGCAGAAGAAGAGGC
TGCCCCGGATTACAGCTAAAACCACTAAGATTGCTGCTCCTGTTGTTGAGGAATCATTGGCCAAACCAGCCATTG
TGGAGCCTGTGAAGGTAAGAGAACCGATTCCGGTGGACCAGCAGCGTGAACTTTTCAAGTGGATTTTGAAG
AGAAGCGCAAGATAAAGCCAAAGGATCGTGAAGAGAAGAAACGTATCGATGAAGAAAAAGCAATTCTCAAA
GAGTTCATCCGGGCAAAATCTATTCCTAATATTTAAAACTTTACAATTGTAGCACGCAAAAACATACTGATTA
TTTCAACATTGCTGATGGAATCTGAATGTTGTGCGATTTCTGTGTTCTAGAACGGCTTCTTATGTTTCAATTCCT
CAATCCTCTCTACCCACACCCAGCATGCCAGTTAACAGGATGAACACGAGAAAACCGGCAGTGAAATTTCG

>trans_s_4160 AY103706|Zea mays PCO107541 mRNA sequence

TTTCGTTTCGCCGTATCAGCGTCAGTGATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTAGGGAAGAAAATCTGAA
TCCATGGCTACCTTAGCGGCTGCTGCAGTTCGTCAAGCCAGAGCCCTAGCTCGAGTTTCCTCGCCTCAGTCAAC
CGCCAACTTATTACAAAGCGCGGACTCGCTGGCGCTGCCGACCACCATGGACCCCCGAAGGTAACTGTTGG
CAAGATCCCATGAGCCCATCTAAGTGGAAGGAAGAGCACTTCGTGCTTGTATCTCTATCAGGATGGGGCCTGC
TCATCTTTGGAGGGTACAAGTTCTTACCAGGGGAAAAGGAAATAAGGATGAGAAAATTGTGGAAGCATCCC
AATGAGCTGAGCTGCAGATATTTCCGATTCTTCTAAAGTACTTCTCGTAATAATGTATTTCCTTGACCTCATG
TGCCAGCGAATTTCAATCTGGAATTGTATCTCAGACTAGTATATGGGCTTATCTGTAGCTTTTTCTTGA
CGTTTTGGTTATTTATGCACCGAAGTCCTACATCTAATAATACGAATTTACCATCATTTAAGCCCCCACAACT
CATTCATTGGATTTGAAGGAAGGGCATTGTGGTTCGGAGTTTGTGATTGAACAAAGCATTTTGTAGTAATCA
GTTAATTGCTATCTTTGGTGTCAATTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4161 M98055|Luffa cylindrica trypsin inhibitor mRNA, complete cds

ACGTAGAAACCTAAAGAGAGAGAAGTCCAAAGGGAAGAAAAGTGAGAAGAAATTAACAATGGAGATGAGT
AAGAACACAGTTGGGTTTTTTAAGTGGAAAGTGATGATTATGATAGTACTGCTCTTGGGGACTTCAATTTAG
CCAACAACATGGTGGACGCAAATGCAATGGAAGTTGAAGAAGGGAATGGAATTTTATGTTGCCAAGAAAAA
TGATGAAAAATGGATTACTCATATTTCAATATGGAGTTTGTCTCTCATTATATGCCATGTAAACAAGACTCC
GACTGCTTGAAAGATTGTGTTTGCAAACAACAGGTATATGCGGTGGAAAATATTGGTGACCTCAATCATATC
ATCTATTATATGCTTCCTTTCTATTACAATTGCAGTTCTTTTTTTCTCTTTGTAACTATGTGATGGCAGTT
TTTACCCTTTCTTTCCATATGAATAAATATTAATCGAGTGTGATGTTTGTATGAGTCTAGTGAACGGTAAATTTG
TTTGATTGTGGTTGGTCGACCTAATGCCTAAAAAACAAAATAATTGTGTGTACAATGCAATGCCCTGCCACAC
ATAGATGTTATGTATTCTAATGCTCGAGTTAGTATCAAGTTTATGTGTGTACGTATAAACTTTTTGTATGTTGAA
TCTTTTAAGTATGAAAATCAAAAGGTAGTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4162 NM_001064935|Oryza sativa Japonica Group Os06g0686400 (Os06g0686400)
mRNA, complete cds

ATGAACTCCCAAAATTTTCATCAATCTCCAAGAGAAAACCGTTCGGTTAATCAATGGCTGGCGGTGAGATCTCT
GTCCCTTTCGCAGTCGTTGCGGTGGTGGTTCTAGCGGTGGCCGTTGGCTTCGTGGAAGCACAGGATGTGCCA
GACTGTGTTTCCAAGCTTACACCATGTGTGGATTTCCTCAAGTCCAATAATCCGCCCGCGACTTGCTGCGATCC

CATCAAGGAAGCTGTGGCGACTCAGCTTCCGTGCCTTTGTAACCTCTACGTGACGCCGGGTTTGTTGAATTCGT
TCGGCGTTAATGTCTCCGATGCTATTCATCTCACTAATGCTTGCGGCGTCCCTGTCGAACTCTCCAAGTGCAAA
ACTGGTGCTCCGGCTCCGCAACAGGGTGCTCCTTACCACCGGGAGTTCCTGGGAATGATGCACAAAAATTTG
GGTCGACTGGAATTACATCTCTAGTACTTCTGTTCTTGGCCTCTCTAGTTGTTTATTAGGATCTTACCATACTGA
GCATTATATTATTTGATTAAGCTATTCCATTGATCTAATAACGTTGATAAAGTTTCTTTATATATTTTAGGGTTTA
TAGTGAGTGTGAAGACTTCATATTTGGAGCATTTGTTAGATTTTCATTTGATCCCTTTCAATAACGTGTAATACT
CTTACTATTATAATATTCAAGCTTCATCCGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4163 XM_002302275|Populus trichocarpa histone H3 (HTR901), mRNA

ACTTCATTGCTCTTGAAAGATTTCCAATCTCTCGTCGGCCAAAATTCTCTCTCGCTTCTCAACCCTTCTTCGG
CTTTTTCATCCAGATGGCTCGTACGAAGCAAAGTCTCGCAAATCTACAGGAGGGAAGGCTCCAGAAAGCA
GCTTGCTACTAAGGCTGCGCGTAAGTCGGCTCCCACTGGAGGCGTGAAGAAACCACACAGATACCGCCC
AGGAACAGTCGCTCTTCGAGAAATCCGCAAGTACCAGAAGAGTACAGAGCTCCTAATCCGCAAAGTCTCCATTC
CAGAGGCTTGTTGCGTAAATTGCACAGGATTTCAAACAGATCTACGTTTCCAGAGCCACGCGGTTTGGCAT
TACAAGAAGCTGCTGAAGCTTATCTTGTGGGTTGTTGGAAGATACCAATCTCTGCGCCATTCACGCCAAGCGT
GTTACAATCATGCCAAAAGATATCCAAGTCCGAGAAGAATCCGTGGTGAAAGAGCTTAAATCCAAGTTCATC
TAAGATTAGACTATGCGTCAAATATAATTTTTTTTTTCTTCTTTGTTGGAATTGCAATCTATGTGTAAATTGTG
TTTGCTTCAATAAACACAATCTATACTTTTACTTCCATGAACATTATTATTGGGTTCAAAGTACAAAGTTTGT
ATTATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4164 AY018095|Oryza sativa microsatellite MRG0420 containing (AT)X12, genomic
sequence

ACGCATTTGACTTACGAATTGACCGCCGAAAAGTTGAAATACATTCAATTACAAGAGCAGTTTAACTCGGCAT
CTGGTCAGGAAGAAAATGAGATCAAAAGGGAAGAAAATGTCTAAAAGGCACGGTGACCCGTGCTACGATT
ACTGTAAAGTACGCGCACTATATACATCTGGGAGAGAAATAATTATGCAGTGAAATTGCTTTTAGGAGAATGT
GTATTGTTGGCGTGTTAATAGCTCTGTTGTTGAGGCGAAGCCAACAACCATTTTTCTCAAATCTCCATTACC
ATCTTCATTTGGTTCTTCAGAGTTGGATCAGTTGAGATCCTGAGTGGCAAATCAGCTCCATAAACTTCCATTTTC
CCTCAGTAAGCCCTCAAATTTTATCTTATTATTGTCTGGATGGCCATGAGATGGAAAACAAGGAGAGAGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAAGCACTTAGAAAAAGCTTTATTTGTGAAATTGGC
CTCCTACATTTATATTTATTTGTTTATGTAATAATAATGAATTATTTTATGTCCAAGGACCCAAAACAAG
AAGCTTGCAAAAGCAGGCTGACTTGGGGCTTTTTTTTCCCCCCTCTTAATCCCCCTTCTTTCTGTTTTAT
ATCCAACCTATATTCCTTTATCTATTTTTGAGATCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4165 DQ127171|Nicotiana tabacum cellulose synthase-like protein CsIE mRNA, complete
cds

AAGAACTGTTGGAGCGTAGCTGAGGCAATAACTTGTGGCTGTACACTCAAAGCTTGGTGGAAGTACAAAGA
ATGTTACTTTTCAGAAGAACCACCGCATTCTTCTTTGCTTTCATCGACACAGTCATCAAGCAGTTGGGGCTTTCT
CAAATAAATTTGTTGTGACTGCTAAAGTCGAGCGGAGGACGTGTCGAAGCGATACGAACAAGAGATCATT
GAGTTTGGAAGCTCAGATATAATGTATACTATGATTGCAACATTTGCAATGCTAAACCTTTTTGGTTTATTGCT
GGGAATTAAGAATGTTGCTGCTTTGAATTTGGAGTTGTTTTATGAAGGTTTGAACAAATTCATTCTCCAAATTG
TTCTTTGTGGGCTAATTGTTTTGATAAACTTTCCACATATGAAGCCCTTTCATTGCAAGGACAAGGGGCGT
TTGCCATCCTCTGCTTTGTTCAAGTCTGTTACTTTGGCTTTATTGGCTTGATAATATATGATTGTAATATTTGA
TTCTCAGTAACTACTTCACGGTTGGAGGACTTAAACCTCTGACTTTTAACTTTTTGTTTATGAGTCATGTTGTAT

GTTATAACTTATTTTGTATACATTTTGGATTTTGTGGGTTTGATGTGAGGTAATTCAATGAATATGTAAAAGTA
TCCCTAATAATTGGAATAACTTGTGCGATAGTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4166 AJ012654|Prunus persica mRNA for ribosomal protein S28 (rps28.2)

CCCTTCTCCATTTGTGTGGCCGGCGCCGTGTCTACAAATTCTACAGAGTTCTCCCCGGGCTCATTTTCTCTCCC
CCGTTTAAGGAATGGAATCCCAAATCAAGCATGCTGTTGTGGTCAAAGTAATGGGTAGAACTGGATCAAGAG
GGCAAGTGACTCAAGTGAGAGTTAAGTTTCTTGATGATCAAAATCGTTACATTATGAGGAATGTCAAGGGACC
AGTGAGGGAAGGTGACATTCTTACCCTGTTGGAGTCTGAGAGGGAAGCTAGAAGATTGCGTTAGATCAAACC
CCCACCTTACCAATTTGCAGTTGCTGAATGTTATGTTTATCCCCGTTTTGGTTTTATCTTCAAAATAGAATGGCT
CTTATCATTTTTTCTCTTTTATGTGTGGTTTCAGTGGCATTTTGGTTCTAAGCCAGAATACCTAACTGGACGA
GTACTTTAATTGAGTTTTGAAACCATCTATTTCAAAGTTTTGTGGCTGTTTGCTAACTCTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGCATTTAGTGTATGCTTGCTTTCTGTTTCGTAGTGGTTAGAATTGTTGTTTGCATGTTTTAATTT
GAAAACAATTAGATGTGTAAAACCAGACATTAGCAAGATTTTGAATGACGGTGTGTTTTGAAGTGATTTTAA
TAGGATTTATTTATTGAATATTTGTACTAGGTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4167 BT010326|Arabidopsis thaliana At4g25660 mRNA, complete cds

ATCGGAAATCCAATAGTGTATCTGTGTGTGTATTGAAAACCTCAATCTGAAAATTCGAATTTCCAATTCGCTTTT
TTGGAGTTCAAGAAGGAATCAGATACAAAGTTTTGATTTTCGAGTCAAGCAAATTTGAAACATCAACACA
CACCCACACACCAAATCATCATCATCATCATCATCTTCATCATCATCATAGTGAAGTAAATAGAT
GACCGTCGCTGAAAGGTTGTTTTGATTCAATCAAACAATTTCACTCAACTCATTTTCTCCAACCTCTGAAACAT
TCATTGCATTCATTGCCGCAATCAAGTTTCAGGTGGGAAAATCGGTCGTAGATTTAGGGTTAGGTTGATTGTTT
TTGTTCTCAAATTCTCAAAGAAGAGGAGGAAGAGGAAGAGGAAGACTAGGTTTACGGGTTAGGTTTGGTT
TTGCGTTTTTCTGAAAAATGACTGACGTGATACTGCATATACGACGTTACGAATAGCGGATCAGATAAGA
CCAATAATACAATTGTTAATATCAACAAGATCTTCAAGGATGGAATTGGTCTAGGCGGTATCTCCATAGCGCT
GTTCAAGTTTATGGAGATGATGAATGGTCCTTCGGGTTTTGTGAGCAAGGAAGTGGAGTTTTAGTTGCCCT
CTGGACAGAATCCAATGTACACATATCGTGAAAGTATTAACCTTGGTAGAACAACTGTTCAATTT

>trans_s_4168 FJ117353|Pinus taeda isolate 4327 anonymous locus UMN_6558_01 genomic
sequence

AACCGCAACAAGAGGAAGGTTCCAGCATTTTGCAGAGATCAAATTCTCCCATCAATGGCGTCGAAGGTTTCTC
TTAGGAGCAAGGGGAAGAGCTCCAAGTCTTCATCCAAGTCAGAGAAATCCGCTACTCAAGCCTCAAGGAGT
GGACTACATGGGCCGTAAAGAAAAGCTAAGGTCATCACCACTACGGCTTTATTCCTCTGGTCATCATCATCGG
CATGAACTCCGAGCCTAAGCCTCAGCTCTCCCAACTCCTCAGCCCCGTTTGATCTGATTGCTTTCTCCATGATG
GATCGGGTTTGTATATGATGTTTTGTTGGGGGCTAGTTAGCGTATAAATTTTAGGTCAGTTTGAGTATA
ATGTTACATGCTTGAACCTACAGAAGACATGCAATAGTTTGAGGCGAAAGTTTTGATCTATTTTTATTTCTTCT
CAAATATCTGTTATTACTTCACCGGTATGAATCTTGGTAATACGCTTCGTTTTTCTGAGTATTGTCTGTTTATTC
AAATAATTGAACGTTTTAGGGTTTATTTCCGCTATCTGATCCGTGATTCCTAAAGACTGTCATGGATTTAAGC
ATATAAGACTGATATGGGCTGTACTATCAAAGCCCCATTTGTAATGCCTGTTTGTCTGCCTCTTATTTCAAG
TTAATAGGAACTGATCAAGGATTTATAGTCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4169 XM_002331651|Populus trichocarpa SET domain protein (SDG912), mRNA

ATCAAGTTGCTGACTATTTCAAGAGACGACTGGCTGGCTACCCAACTACCTTGAGTGAAGACGAATTTCTGCT
GGCTGATGGTAATTTGAACCAAAAAAGAGAGTCGCTACCCAGCTTGTTAGATTAGAAAAGAAAATACTTCAT
TCATGCTTGAAGTGACAATTGATTCATAAATCAGTTACCGGATCACACTGTATCTCCCTGCCCTGCTCCCTAT

GCCCCCTTATTGAGATAAGTGAGCTGTAGATGTTCTTCCAGCAGCGGTCGTATGTCTGTTTTATGACATCTATT
TTATGATATCGCAATTCCAAGCAAAATCCTCCATCCCATGATGAAGCTTAAAAGGTAAATCTAAATAAGCTGCC
CACTACATAGGATGGCTGATGTTTCAGGGTGGTCAGGTATTGAAGATAATGACGACAATAATGATTATAAGTT
GAAAATGTTTGGAGGCCAAGGATTGAAGTTACCGAGTAAAGCCATATTCCTTCTCTCCTTTAACATTTCGTGGG
TTTTCTTACAGTCTCTAATACTCACTTTGTCCATTGCTTCCTGTAAATAACCAGAACTACTCCATTCTTCTCTCAAT
GGATCCCCTTCTTTTCTAGATATCTTCTTTCCATATTAGCAGTTCTCAAACCTCAACAATCATAACTAACAATAG
TGGAGATAAATTTTTTGTGTTTTTCAATTGACATGCACTCATTCTTTGAGTTTAGAAGTT

>trans_s_4170 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

AACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTGAAGGGAATTCTTGAAGAGAAAAATGGATTATGGGAGT
AACAAAAAACCCAGCGGGATTGGACCGTGTAGATATATGTCTTTTATCTGCCACATTGGGATTCACAACAAA
ATGTGTCTTTATTCCAACCACCGCGAAAGCTCCATACAGAGGGTAGGCTGGTTCGCTTGAAGAGAATCTTTTCC
ATGATCAGACTTGACCATGTCGTGCATGACCAGGCTCCGTAAGATCCATTAGAATAGGTGATATATATGCCAT
AATACAGATTATGTTTTATCTATTTCACTTACTTAATAGTATGAAAATGCATTCATTTCTCTGCATTGACTCGAT
TTATAATACTATCGGAGTGAAACAAGGGGATCTAAAGAAGAACATAGGCTAGACTCTATTAGTAACAGACGG
GCTTCCAAGCACGAAAAGTATCAATATTTTTGGGGGCTAAAGCCCCATCGCAAGGGTTGAGACGACCCAGA
AAGCACTTGAACATTATCAACTTTGTAAGCCTACTTGGGTATTGAGCATTATCTGTACGAACCTTAATTCCTTGC
AATGGATAATTGTAACCTTGAAAACGGAATCCACTAAATTTTTCTTACATTGAATCACTCATTATTTTATATA
TGCTTGATAAGATATCGATTTTTTTTCTCAAGCTTGACCAAAAGAGATGTCCGGGAAAAAAGTTCA

>trans_s_4171 NM_114851|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L26 (RPL26A) (AT3G49910)
mRNA, complete cds

CCTCTTGCCTTTGGTTAACTTCAATTCCCTCCGAGACCCAAAAACCCTAATCAATCACAATGAAGTACAACCCC
AGAGTCTCCAGTCCCCGCCGTAAGAATCGGAAGGCTCACTTCTCCGCGCCGTCGAGCGTACGGCGGATTTTGA
TGAGTGCGCCTCTCTCCGGCGACCTTCGTTCCAAGTACAATGTTTCGCTCCATGCCGATCCGGAAGGACGACGA
AGTTCAGGTCTTGAGAGGAACCTACAAAGGCCGTGAAGGTAAGGTCGTACAGGTCTACCGTCGCAAGTGGAT
CATTCACATTGAGCGCATCACTAGAGAGAAGGTGAATGGCTCCACTGTTAATGTTGGAATTAAGCCGTGCAAG
GTTATGATTACGAAGCTCAAGTTGGATAAGGATAGGAAGTCGTTGCTTGATCGTAAGGCTAAGGGTCTGCTT
CTGCAGATAAGGATAAGGGCACTAAATCACTGCTGAGGATATTATGCAAAGCGTCGACTAATTTTAATCTGG
TGAAAATTTTTGAAATTTCTCTTAGTTCTTTTTTAGTTCTTCTCTGTTTTGATTTGCTTTCAAACCTTGAGGCTTT
GTCTTTATTTGTTCTGGAATGAGGAGACAATGTTTTATTGTTTTAATTTTGATGCTTCGAGTTCTGCCTTTGCTC
TCAATACCTGTTTTTTTTTTTTTTTTTAATTTTTCAAGGCAATATTTAAATTCCTTTCAAAA

>trans_s_4172 AY060544|Arabidopsis thaliana AT5g01350/T1008_60 mRNA, complete cds

ATAGACATCGTGGTTGGCTTGGCATTGAGGGAAATTAGGGCATCACTTCTGTCTTCTCCAACGCTATTTTTA
CGCATCTGAATTGGCATTGATTTATTTTAATTTCTGGAAACGAGCATGGCGGGTGGAATTTTCATCCACAGAGT
ATTTTCTTACCTCGTGAATGAGGTTCTCGTCAACAGTCTTGCGAACAGCCGTTCTTTCAAAGGTTTGCTGTGA
AGACATCGAAACAAATTGAGGATATATCTACCAAGGCTGCACAGAAGAAGCAAGAACTTGCAAGCAAGTGA
AAGATTTCTCAAAAAATTTGATTCTTTCAAGAACCATTAAATGTGGAGTGGAACGTTTTATGGCAACATGATGT
AAATCCTATTCCAATTTTACTCTTAATAGTCGAGATCCCCGAAGATTTGTTTAATAACCTTATCTTGTCTACGT
GTTTTGTAATTGTGACAGTAGAATTCTAGATTTGTTCTTGTTACCCGGTTGCCTTTGCCTGTAATTGAAGCGA
AGATGAACTGATTTCTCCTTGGCTTATGCCTGCATGTATCTGATTTTGTAGCTTTTTTCCCCGCCATTATCATCA

TTGGACAGTGGGACTTTTAAATAGGTCTTGAAACAAAGACATGGCAATTGAAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4173 GQ903576|Arabidopsis thaliana ecotype Wassilewskija chloroplast luminal 19 kDa
protein (At3g63540) gene, complete cds; and CCH-type zinc finger protein C3H69 (At3g63550)
gene, complete cds, alternatively spliced; nuclear genes for chloroplast products

ACGGTGGCCTTGGCGGAAACGCCAACAAGAAAGACACAGCAGAATACGTATATGACGTGCCGGAAGGATGG
AAAGAACGATTAGTATCCAAAGTCGAAAAAGGTACGAACGGAACCGACAGTGAATTTACAATCCGAAGAAA
CGATCAGAGAAGGAATACCTAACTTTCTGGCGGGAATCCGGCAATTAGGGCCGAAGGATGTGATTCTGAAT
AACCTAGCTTTATCGGACGTGAATTTGCAGGATCAAATCGCGAGCGCCGAGAGCTTCTTGGCGGATGAGAAG
AAGGATGAGAATGGACAGGTTTATTATGTGTACGAGATCGACGGCGCCGGAAGTCAAGTTTGATATCGGTG
ACTTGTGCGAAGAACAAGCTGTATGCTCATTTTGTGAATGCGCCGACGCCGGAGTGGAATCGGTACCAGGAT
ATGCTCCGGCACGTTTCATGAGTCGTTCAAGACGGTGGGATCGTATTAGATAGCTTTCGTGGCGTCGCCGAAGA
TTTGATCGGAGAGTGATGAATTTGTTGTTATATATATATATATATGCTTATTCTTGAATGATGAGAATCGG
ATGCTTTTTTTCACCATTCACACTCATCTCTCTCGTCCCTGTTTTATAAATGTTTTTGAAGATGACTTGTGGATT
AAAACCTTTATAACATTAGATTAGATGTTACATCTTTACTTCACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_4174 AL161591|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 87

CTCAATTACATCTCGCCTTTCATCTACATCTAACTCACTCAGAAACCAAAGAAATGGGGATTGTGTGTCGTCT
GATTCTACCAACGTTGCTACAGCGAAATTGATTCTTATTGATGGAACATTGGTTGAGTATTCATACCCGGTTAA
AGTTTCTTACGTCCTACAAAAACATCCGTCGAGTTTTATCTGCAACTCGGACGATATGGATTCGACGACGTCG
TTTACGCCGTTGACGAAGACGACGAGCTTCAACTCGGGCAGCTTTACTTTGCTTTACCGTTGGAGAGGCTGAA
TCAGCGGATGCAGGCGGAGGAAATGGCAGCATTGGCGGTTAAGGCGAGTTCGGCGCTAATGAAGGCGGGA
GGTGGTGGTGGGATGGAGAAATGTGGATCTAAAGGGACGGCGGTTATTCCGGTGGGAAATTGCGAGGAGG
AGGAGGGGTTTAGGAAGGAACCGAGAAAGGGGGTTTGAAGAAGAAGGGTGAAGTAGGAAATTTAGGG
CGAAGTTGAGTGCAATTCGGAATAATGGAGTTTTTGTAGGGTTAATAGTGTAATATGATATGTTGCTCTTT
GAGGATGTTTCGTTCTTTTGCATCCCATAGGCAATGGCATCTGATTCTTTGTTGTCTACTTTTACATATTTACCC
CTCAGTATAAGAAATTATTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_4175 NM_102795|Arabidopsis thaliana GTP binding (AT1G30580) mRNA, complete cds

GAACATGGTGGTGAAACGATTATTCCTTTCAGTGGTGTGTTAGAAAGAAATCTTGCCGATACGTCGTCCCCAG
CTGATGTAGAAAAGTATTGTGAAGAGAACAAGATTCAAAGTGCTCTTCAAAGATCATAAAGACTGGGTTCTC
AGCGATCAATCTCATATACTTCTTCACTGCTGGTCTGATGAGGTGAAATGCTGGCAAAATTAGGCGACAAACA
AAGGCTCCTCAAGCTGCAGGGACAATTCATACTGATTTTGAGAAAGGGTTCATTTGTGCTGAGGTCATGAAAT
TTGAGGATCTCAAGGAACCTGGCAGTGAAACGGCAGTCAAGGCCGCTGGAAAATACAAACAAGAGGGAAAA
ACTTACGTGGTCCAAGATGGAGATATTATATTCTTCAAATTAATGTTTCAGGTGGTGGCAAAAAATGAGTCCC
ATCCCTATAACGTAATATCTATCCTTGTACTCTTAATTTGTTAGATTTCTCGAGTTCTTCCCTGCTTTTTTGG
TAATGATAATGTGTTATTAAATCAACCTTGAGTTTTGAACTCAGAGCCTGTATTGAGTTGTCTTAATATAAAGA
AATTGTTTTGTTGTTGAGTTCAAATTAGAGAACTGTGGTTTCTATTTGTTGTTTTTCGATTTCTCCTTGGCAGT
ATATTGACAATAATACTACATGGCATCTTTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4176 NM_115530|Arabidopsis thaliana SIB1 (SIGMA FACTOR BINDING PROTEIN 1);
binding / protein binding (SIB1) mRNA, complete cds

TAGTCTAACCTTTTTTCTCCTTTGCTCTCAAAGAAGCCTCCTACCTACAATTTGCGAGCCACCAAACATTTTTC
TTTCCCATAAATTAACCTCCAAAACCTGCCTCTTTACGAACCCGAACCTCGAAAGAAAAAGACGAAAAAATG
GATCGAACTTTACTGGTAAGTGAGCTGACGACGACGACAGCGAAGAAGAAGAAAAACAACACGAAAAAGGAA
ATCATGCGAAGAGAATAAGCAACCCCTTAAAGTTGTATACATATCCAAACCCGATGAGGGTTCACACGAGCGC
ATCTGAATTTAGAGCCTTAGTCCAAGAACTAACGGGGCGAGATGCCGAGTTTCCCGACCCGAGCAAGTTCTAT
CCAGCGTCGTGCGAGATCGTCATGAATGATCTTGAGAAGAAAGTAGTAGCAGATCAAGGAGAGGACGATGA
GCAAGAACTGTTAATTGATTGAGCTGTGATGATGACTTTTGGAGGAGTTCATTTGAAAGCTTGAGGATATT
TTGAGGAGAGATGTGATGGAGAACTTTGGAGCCATCTCTACATCTTTAATCAATCCTTTGGTTTAGTATAATAA
TTGAGGTTTCATCTTTATTCTCAGCTTTCATCTAATTTTGCTATGATCTTTTCAAGCCTGTCCAAAAATAACGA
AATGCACAATAATCCTGTAATGTGTTAATGATTCTCTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4177 DQ399826|Lycopersicon esculentum GRAS4 (GRAS4) mRNA, complete cds

CAGCCCGAGAGATAGGGTCTAAAGTCGATCAGGAAAATCAATCCAGATCTCTTCATTCATGAAGTCACCAAT
GGTTCATTTAACTCCATTTTTCAACACAAGGTTTAAAGAGGCACTCTTTACTACTCGTCGTTGTTGACATG
TACGAAGCGACAGTGCCTCGAGACAATCCCCAGAGGTTTCTGTGTGAGAAGGAAATCCTAGGAAGAGACATC
ATGAATGTCATAGCGTGCAGGGGCTTGAGAGAGTCGAAAGGCCAGAGACATACAAGCAATGGCAAGTAAG
GAACACAAGGGCCGGGTTCAAGCAAGTACCATTAGACCAAGATTTGCTGAAGAGTGTGGAGAAGATAGTGA
ACACAGAATACCATCAGGACTTCAATATCGATCAAGACGGGTCGTGGATGTTGCAAGGGTGGAAAGGACGG
ATTATCGACGCGTTATCATGTTGGGTTGTTGCCTAAGAAAGCCAAGGGGAGGGATTCTATAGCTAATAGAAAA
CTTAGGGAAGTCTTATAATATTTATCATCCATTTTGATAAATCCTTTTTGAAGTTTTGTGTTTGCTAGTTATGTAT
GTAGCTTGATTGTTGGAATTTTGACATAAGATTTGGAAAACCAATCACATAAAAAAAAAACAAGAAATTTATTT
CTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_4178 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

GAACCTATAGGGTTTGTTATTTTTCTAATTTTCTCCCTTAGCAGAATGCGAGAGATTACCTTTTGATTACCAGA
AGCAGAAGAAGAATTAGTAGCGGGTTATCAAACCTGAGTATTCAGGGATAAAATTTGGTTATTTTATGTTGCT
TCCTATCTAAATCTATTAGTTTCTCGTTATTTGTAAGTGTCTTTACTTGGGTGGTTGGGATATCTCTATTCCAT
ACATATTAGGTTATGAACTATTTGAAATAAATAAAGTGTATGAAGTCTTTGGAATGACAATTAGTATCTTTATT
ACATTAGCGAAAACCTATTTGTTCTTGTTTCTATAGCATGAAGATGGACTTTACCCCGACTAAGAATAGA
TCAACTATTAAATCTTGGATGGAAATTTCTTTTACCTATATCTCTCGGTAATCTATTATTAACAACATCTTTCAA
CTCTTTTCATTGTAAAGGAATACCATATTCTATATTCACGACTTGCTCAAACAAGAGAAAGAAACAAACATAAA
ATTCTTTAGAGATATTATAATATGTTCCCTATGGTAACTGGGTTTCATGAATTATGGTCAACAAACAGTACGAGC
TGCAAGGTACATTGGTCAGGGTTTCATGATTACTTTATCCCATGCAAATCGTTTGCCTGTAAGTATTCAATATCC
TTACGAAACGCCGGCGATGCTAAGATACCCTTACAACGCTTAGGTAAACTTAAATC

>trans_s_4179 AY108417|Zea mays PCO144905 mRNA sequence

ATTTTGGCCTCATTCTAAATCGTTCCGACGTTTTAGCTTCGATTTGCGTAAATTGTTGCTCCACCAATCTTCC
AGAATTCCGGCGACGACCAATCAGGAAATAATAGCCTCAAAATGGAGTTAGCAGACAAGACGGTTGGATTTT
TGTTATCGCTAACGAGCTTGCTATATTCATTAATACTTTCTGGGTCGTTATCCTGCCATTTGTAGATAGTG
ATCACTTCGTCCACAACCTATTTCTACCACAGGAATACGCTATATTGATACCTGTATTTGCTGGTGTGGTACTTC

TATGCTTATTAGGCATATTTGTAGGAACTGTGATGCTCAAATCCAAAAGAAGAAGGCATGACTTTACTTTTTT
TGGCAGTTCCTTTTTCTTTCTTTTCTTTACTGTTTCAAAGCTTTTTCTTTTCATTTCTTTTATAATTTAGTAG
GAAATCAGACCATCGTCTTTGTGATGGTAACATATGACTTGTTCCGCAAAAGATTGTGTAGTGTGTCAAATG
GTTGTTTGTTACCTTCTTAGCAAAGGTTGTTAGGTTAAATATAATGTGGTTTAGTAGTTAAAAAAGAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCGCCGCCCTCAAAAATTTATCAATCCCCCCCACCCCG

>trans_s_4180 AY133248|*Aegilops tauschii* starch synthase II gene, complete cds

AATTCAAGATTCTTCGGGGGGGAAAAAACCGCAACTCCAAGCAAAGCGATGGGGCAATGCGTAAGTTGTTTA
GACGAAGGTCAAAGCAACAGAGAAAAGAGGAAGAACGATTGGCTTCGTCGAAGCTCGCGCCAAAGCTGC
TGAAGCCGCTCAGAGAAGGCAAGAAGAGTTTGAAAAATCTGCTGCAGGAAGGGCTGCACGTGCTCAGTTGG
CAGCAAATGCAAAGCAATCTGCTAACATAACAAGGGCGAACCAGTTCTTAAGTGGAGTATGGGGTGAGGTC
GTGCTCTATCGTCAGCTTTCACTTATGTTAATGAAAGGAAAAGATTGTATATTTATCCGCATTCTTGGCTCCGC
TCATGCCAGGCTACTTGTCTATATCCCAAGTCTCCAAGGCAGAAGTCATTGAATGGAGCTGCAGTCTTGAT
TTGTTATACATTAATCAAGGAAACAAAAGTGTGCGAACTTTATTTTTCGACAATGCTTTTCCGTGTAAATTTT
CCCTTAAGTTGTTATGTCTCAGTCTCAACTTACAGTTCATCCATATTCAATTACTGTACAGACACTTTCCCTGCAC
CAACTTCATGTTTGGCTCTGTTGACAAAAGTCCCAATGATATTTGCTAAGACATGCCACTGTGCTTAACTTTGA
CATACAAATAAAATGTGCGATTTTTCTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4181 NM_001069328|*Oryza sativa* Japonica Group Os09g0293900 (Os09g0293900)
mRNA, complete cds

TTAGGGTTTTAGCTGAGCCAGTTCTCCATCCTTTCTCAAGCATGGCTTTCTGGGGAAGTGAAGTGAAGCCTGG
AAAGCCTTTTACTCAAAAATTTGATGACTTCAAAGGAAGGCTCCATGTTTCGCTGGCAACATTGGGGTTTGGTA
CAGCGACAAAGAAGAGTGTTCTTCAGTGTAATGTGGGGAATAAGAGTCCTGTCTATCTATGCTCATTGTTTCCT
GAGAAGACTGAGTGTTTGCAACTAAATTTGGAATACGAAGAGGCTGATGAAGTCATTTTTTTCAGTTATCGGTC
CTCGAAGCATTACCTTTCTGGTTATTTTCTAGGCAGTTGCCGTACAATAATGTAATTGATGATAATACAGAA
TCTTATGGAGAAGATATTGCAAACACCGAAACACAGAGCTCTGAGTATGCTGACGAAGACAAGTATGAGGAT
AGCTTTATCAATGACGAGGATCCAGAAGTTTACTCTCCTTCTCCTATTTCAAATGAAGAAGATGAACTTTTGG
CAAGAATAAAAAGAGAAATAAAGCTCGCAACAGTAGGCGGCTCAGAAAGAGCTATCAATTGAGTGAATCAG
AAGATGAAGAAAATTCTCAACCTGAGAATATTGCAAAATCTGGGATTCCTTTCTCAGAATTGGAAAGTTTAGA
TGAAGACAGCCGTCCGATATCCTTCTGTGCAATAACAGAAGCAAGGGAGAGAATACTACGGCTGCAAA

>trans_s_4182 NM_001075085|*Oryza sativa* Japonica Group Os11g0706100 (Os11g0706100)
mRNA, complete cds

AACTTCATTTGCGTTGGCAGTAACTGTAAGAGCAGATTGACATGGCGGTTCTTCCACCACAACTGCAACAC
ACCCCAAAACCTGAACCAATCTTCTTACCGGCCGCTGCCATCAACGGCCCTTCTTGGCGCCGGCTTCAGTA
TTCGTTTTAATTGCCGAAGCTCCGTCGCCCGTTAATCCTAAGCCAAACGCGGCCACATCGAAGTCAAGCGC
GAACAGCGACCAAGATGGCGAAGTGGACAATTTGGGGGTAAAGCTGCACTGTCCATGCTTAAATTCTACAA
ACGAGAAATCTCGCCGCTATTGCCAAATAGTTGTCGCTATTTACCTACATGTAGTGAGTATTGATGCAAGCTT
ACAAGAAATACGGTGTTGCCAAGGGTACTGTCTTGACTGCTTGGCGTCTCTGTCGCTGCAATCCCCTTGGTGG
ATCTGGGTTTGATCCTCCTCGGTGGTTTGATGAAGAAAGATTGCCAGAACCAAGATTGACAATTTCAAATG
CTTTGTTGTGTTGGCTAATGTGTTGGTTGATTGTTGGGGGTGAATTTGTGAGAGCTAACTCCCTGTGCAGAGC
GAAGAATGTTGTAGAAATTAGCATGTTACACGAATATTTTGTAACTGGAGTTGTGAATGTGGAAGTTGTTCT
GAGAATATAACATAATATATGTTAGATTACAATTGTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4183 NM_001055442|Oryza sativa Japonica Group Os03g0138100 (Os03g0138100)
mRNA, complete cds

AAAAGAAAAAAGAGAACCCTCAATTTAGGTTTTTCTCCTCCTCCATCGCCATTCCCATCTTCTCTCTTTTC
CCTGCAGGTTCTCTCAACACAGCGACACCGCTCTGCTTCATCGCCGTCGCCTCGGTTTGCAATTTCAACTCTCATT
TCTGCTTTCTATCTACCACACAGGATTATTGATTGTGCAAGTGACTGCGTGGCAATGAGGATTTCCACCTTAAC
AAGTTATTCGTTTTTAAAGATGGTCAATGGGGTCTTTGTTGAGCATTAAATTAATTTTCACGTCGTATCGTTAGT
CTAAGTAGGGGACGATGAGCACGCATAGTTGCTCAAAACAATACAGTAGAAGGAGTAAAAAGCAGACGCGG
AGCAATTCTGATGATGAAACTGCAGCTCGGACTAGGCCATTGAGCTTTGAAGATATTATGCTTAGAAGGAAGA
CTAAAGGGTCGTCTGCTACGGTTGAGGTGGATGTCACAAGTACTGATAACAGGGCATCTGAAAGACATTTTCG
TCACAGTAAAGGTTCTTCTTTGATGTGCAAAATGTGTCATTGGAGGAGGAATCAGCCAAAGATAGTTCAAGT
AGGAAAAAAGAGGAGACAGTGTTGAAGAACAATATAGTGGTTAGGAATGACAGAAATAATTATGAATCTGG
ATTGTCACTGATGAGTAACTTAAACACGACAGGAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4184 NM_001084317|Arabidopsis thaliana DNA binding / nuclease (AT1G67660) mRNA,
complete cds

CTTTTTCTTCTTGACTTGTGGAACATTTCCACTGCACCAGCGGGATAAACCTCAATCAATCCTATTGGATTGC
CACCATTGACGCAATCGGCAGCTCGAATTCAAGCTTAAATTTTATGGCGCATCTCTCATCTTTTCTGTGAAAG
TTCTAATAACACGATGAAGTTCGCTGCGGTCTCTTCTCTCAGTCCGGAGCGTCTCGAAGTCTTTTTCATGGTG
GTTGCTCTTTCAATCAAGTGCCGCCAGTTGCTTCATTTTCAGCTCGCAAATTTCCATTGAACTCCGATTCTCTTTT
GGTGTGTGGGTTGTGCAGAACTATGTCAGAGTAACTCAGTCGAAATTGCCATCATGTCAACAATGAACAAC
ATCTCCATTGCTAGAATCTGCTGCAGGGACTCTAGAAAGAATGCAAACTGTACTTAAACGAAATCGCGGGA
TTGCTTCAAGATCCTTTTCAACATGTGCCACGCCATCTAGTTACACAACAAATCCTCCGGTCATCTGGTTACCCT
CACCTTTGATTTTGGCTTCCCAGGTCAACCAATCAGTTGCCCTCAGCGTTCAGAAGAATGGTTTGCCTAAGG
AGAGACAAGCTGACTACAAGCACATTGAGCACAGCCTTAGGCTTCTGGAAAGGAAACCGTCGCTTTGAGCTGT
GGCATGAGAAAGTATTCCCTTCAGAGACTCAAAAAACAGATGCACCACAGCAAAAGCCA

>trans_s_4185 XM_002875304|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

GAGAACTACGATTTAATCGTATGTTGTGATGGGAGCAAAATCTAGGGTTCTTCTCATTTCAAGATCTTTCCC
GCGATTCTTTAACCTCTCTCTCTCTTTAAACAATTTCTCCATTTAAAGATAAAGCTTCTGATTCTTACATCT
CTCTCCGCATCTTCTTTACTCAGGTACCGGTAGATTGCTTGGGTGATTTTGTGTGGGAGGATTTTTCAGGGGAA
GTTGCTACTGGCGATGAAGCTGGTGCTTTACTGGTAGACCTCAAAATGCCGGACGAAGATTTGATCGAGCTTAA
GTTCCGACTTTATGATGGATCGGATATCGGTCCATTTGTTATTCCCCAACTTCAACTATAGCCATGGTTAAGG
AGAGGATTGTTGCAGAATGGCCTAAAGATAAGAAAGTTATACCAAGGCAGCAATGACGTAAACTGATCA
ATGCTGGCAAGATTTTAGAAAACAACAAGACTGTTGGTCAATGTCGAGTGCCTTTCCGGTGATCTTCCTATAGG
AGTTATTACTATGCATGTCGTGGTTGAGCCAATATAGCAAAAGCAAAAGCAGAAAAGAAGGTTGACGAGAC
CCCAACAAAAACGTATGTTGTTCCATATTGTAGGAAGGACGGATGAAAGGTAAGGAAGCTTGAGATTT
GCCAGGGGCTAGTTCCAGCCAGCCTAATTGGGGTCGCATTAAAGTTGTAGCTTGCCAGAGAATAT

>trans_s_4186 NM_001084535|Arabidopsis thaliana EDA3 (embryo sac development arrest 3);
heat shock protein binding / unfolded protein binding (EDA3) mRNA, complete cds

AACCATGGCATTGTTAATTAAGGTGAACGAGTGGCGCAAACCACAGAGAAGATGATGGCGTCTTCTTCTCAT
CTATCCGCCATTCCCCTGCGCCGCCCTCTTCTCCTCTACACCTTCTTATCCCATTCTAACTCAAAGCCTGTTG
TACTTCATTTGACATCGAATTCTGATGATGAAAGCTGCAGTACTGGAGATTCAAGAACACCATCAAAACCGCT

AAAAGGAACTCAAACTTGATTTCTCGTCGATGGTGCCTCACATGTTTATGTTTCATCTGTGACATTGATGAAGA
ATTATGGGGGCACGACTGAAGCTATTGCAAATACCATGGATGGAAAACCTGTGTGCCGAAATGGTGGAGGAA
GTGGTGCCGTACTTTGTGACATGTGCGGTGGTACAGGGAAATGGAAAGCTCTAAATAGAAAACGGGCTAAAG
ATGTCTATGAGTTTACAGAATGTCCAAATTGTTATGGTAGAGGAAAACCTTGATGCCCTGTTTGTCTAGGAACT
GGTTTACCGAACAAACAAAGGTCTCCTAAGAAGGCCCGATGCACGACAATTGCTCGATAAGATGTACAACGGT
CGCTTATTACCAAATTACTGAACTTCATCTCTCCATGTCCATAGTTGGTAATAGATGTATAACTTGTTTCTAGTT
GGTAGAAGTTACCTAATTGCGGCTTTTGTCTATGGTTGCTTCACGACGGAAGTTCATGAGTGGAAA

>trans_s_4187 NM_001056537|Oryza sativa Japonica Group Os03g0328900 (Os03g0328900)
mRNA, complete cds

AACTTTCTTCTCCAACAGCAACAAAACGATTCTCAAAGAGCTGCCGCAGCCGCCGCCGCAGCGTTAATGATGG
GGGAAGATCTACACAAATTCAGTCGGTCCAGTCGGCTTGAACGAAATGAATTCTCGATGAACGGCAGCGCCG
GTATCATCAATCCGGCGTCAAGACAGATCTACTTGACTTTCCCAGCTGATAGCACTTTCAAAGAAGAAGATGT
ATCGAATTATTTCAGCATGTACGGTCCAGTTCAGACGTGAGAATCCCATATCAACAGAAGAGAATGTTTGA
TTTGTTACTTTTGTATCCTGAAACAGTGAAGCTCATTTTGGCTAAAGGGAATCCTCATTTTGTGTGATGCT
CGTGTTCTTGTTAAACCTTACAAGGAGAAAAGGCAAAGTCCCAGACAAGAAACAGCAACAAATCGATAGAGAT
TTCTCCCTTGTTGGAACCTCAACCGGTTTGGATTCAAGAGAACTTTATGATCATCTTCAACTGGGTCGAGAAT
GTTTTATAATACTACCAAGATCTGTTATGGCGAAGGAAATTGGAAGAACAACAAGCTGATCTTCAAACACTT
GATCTTCAAAGTCGACGCCTTTTGAATCTGCAGCTTCTTGATGTGAAGAAGAACCAGCTTCCCCACCACCACCA
CCACCGTGCTCTTTCCACCGGCAGCCCAATTCCTTCCCCGACACATTCTCCNAACCCCTTGTTGC

>trans_s_4188 HM162887|Malus x domestica sieve element occlusion a (SE0a) mRNA, complete
cds

ATCGAAGGACGTTTCATTCGAGATCGTACGCATAGGCAAGAACGCAAGAGGAGAAGAAGATCCAGCACTCATG
GCTCGTTTCTGGACAACACAATGGGGTTATTTTATAATCAAGAGTCAACTGAAAGGCTCAAGTGCAAGCGAAA
CAACAGAAGACATTTTAAGGTTAATTTCTTATGAAAACGAAAATGGTTGGGCTGTTCTTACGTTGGTCCTGCT
CCTCTTCTGTTGGTCGTGGCTTCTTAATCCTAAGATTGCTTGAAGATTTCCCTAAATGGAAACAACTTTACGC
CTCAAAGGATTCCCTGATGCTTTTAAAGAATACTTTAACGAATTGGCCACCAAAAATCACCAATGTGATCGAGT
AATTCTTCCCGGATTTAGTGATGGATTCCGATGATTGTGAATTGTCCTGAATGTCCTCGATTTCATGGAGACTG
GTATTAGCTTCAAGTGCTGTCATGGAGGTCTCTAATTTGATTTCTTTTCATATAATTACTTACTATATCTATA
TATATATATATATGCTATTATATATTACTACTACTAATAATAAACCATATAGTATTATTATTCATTTATTGCTAT
ATAGCTTCAAGCTTATGTATGCGGGTCGTATTTGCTATTTTTCCCTTTTTGCTACACTTTATGTATTTGCTTCGA
TATGAATCATCTAATGTAAGAACACTACATCGAATAAAGGACGTTTAATTTATTT

>trans_s_4189 XM_002331177|Populus trichocarpa SAUR family protein (SAUR7), mRNA

ATATAACGAAGCTTCCCTTTATCTTTCCCTCACCTTCTTCTAATTCTCTCTCAATTTTCTTCCCTCTCTCTCTCT
ACAATTTTCAGCCATGGTCAAAGCCGGGACTCTCACCAAGCTCAAGTCGGCCATTAAGAGATGGCCCTCGATC
ACCAAGCTCGGTGCGAGCTCAAGCTCTGTATCGGTTGCCCGGTGAGCGATGGTGGGAATGTTGGTGATAAC
ACCAACTCCAAGGAGCTTCGGACAGTCTATGTTGGTAAGTCACGGCGACCATATTTTGTGAGCTTAGATGTTGT
AACGCATCCTCTATTTCAAGAGTTGGTTGATAAGTCATCATCGTTTGACGAGGATGGGGAGTTGGTGGTTTCT
TGTGAGGTTGTTATGTTTGAGCATTTGTTGTGGATGTTGGAGAATGCGGCGACGCAGTTGGGGTCGACGGAG
GAACTTGTCGAATTCTACACTTGTTGACTTGCAAAGAATTCAACAAATGAACGACGACGACCGCAACGACGGC
AAACGAACATGCATAATACAAAGTCTAATAATTTAATTAAGCTAAGGTGTAAAGATGTTGGTAGCTAATGTTT

GTTGAGAGAAGTTGGTCGTTGATGGGAATGTGTAATTTTTTTTTTTTTCATTTTGTGTTAATTAATTAATCATGA
TTAATTAAACAATATAATTAAGATTATTCCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4190 DQ372575|Gossypium hirsutum DNA binding/zinc ion binding protein mRNA,
complete cds

ATTTACCAAGTTCCTACCCAAATCCTTCTCACAACCTCAGAACCTTTCAACTTTATCGGCCCTCACCACAGGATTG
GCTGTGGCGATCTCCTCCCGTCCAGCACTTTTGAAGTCGTAACAACAGTTGTGTTTCTCTGGGTACCGGTGAAT
TCCACAGAAAAGTAAGCTCGCACTTGCATTTGAACCCCATCAATCCCACCTTCTTATTGCAGGTTTCGGCACCGGT
TTGGTACATCCGGTGATGGGGATTTGCTGGAACGCGAGGGAAATTCCAGTGGATGATGACGATGAAGCTG
AATCCACTGATGAATCGGAGAAGACAACCTGGAGAATTACCTTCAGCCGGCTTTAAAATTTTGGACTGAAGGG
ATTTCTCCATCGCTGCTTTTGCCGATGCCGCTTGCTCTTCTTTGATTGAGAGTCTCTGTAGCACTTCGAGCAGA
GATTCTCGGTACCAGCTGAACCAAAGAAGCCGCAGTTGTTACACAAAGCTTCGGCTCCGATGGCTGGTAGCT
TGTGCCATCGTTCTGCTCTGAACCCATATTTTCCCAACTCGTTTGGTCTAATTGCTCTTAAGCCAGTAGAAGAT
CTAAGGAACTCAAAACACCAAACCCCTCCGTTCTAGGATACAAATCAAATCAGGAATTAGAACAAAATCAAA
GATTTAGGAAACCCTCAAGGAGAATTAAGGAAAACAGAAAGAAAGAAAAGAAAAAACCGATT

>trans_s_4191 NM_001111887|Zea mays histone2A1 (his2a1), mRNA gb|U08225.1|ZMU08225
Zea mays W-22 histone H2A mRNA, complete cds

ATCACAATCGTCAGTAAAATCCCAAGTAAATTATCGTTCCAGATTCCAAGAATTTTACAATGGAAGGAACCAA
GGGTGCAGGAGGAAGAAAGGGCGGCATAGAATAAGGTCTCCAAGTCCGTCAAAGCCGGACTCCAATTCC
CCGTCGGTAGAATCGGTCGGTACCTTAAGAAAGGCCGATACGCTAAGCGCACTGCCGCTGGTGCCCCGATCT
ACCTTGCTGCCGTCCTCGAATATCTCGCTGCTGAGGTCTTGGAATTGGCTGGGAATGCAGCGCGTGATAACAA
GAAGAACAGGATAAACCCCAAGGCATGTTCTTTGGCTGTGAGGAACGATGAGGAGCTTGGTAAATTGCTTCA
AGGAGTCACCATTGCAAGCGGTGGAGTTCTCCGAACATCAATCCGGTTCTGCTTCCAAGAAGACAGCGTCG
AATTCCACTCCCACTGCTGAAAAGGCTCAGAAATCACCAAAGAAGGCTTAAATTAAGTATAGATTTCCGAGAA
TGATTTAACTTTTTTCTCTTTGTATAAATTAGAATTCTCCTTGAATCCTTAGTTTCTTAGATTAACCGATGGT
TTTGATCTCTGGTTTTCGTATGATGTACGTATCCATTTACAATGTCTAATGGAAATCTTATCGTTTACTGGTAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4192 NM_126003|Arabidopsis thaliana AKRP (ANKYRIN REPEAT PROTEIN); protein
binding (AKRP) mRNA, complete cds

TGTATAACGTTGATATAAATCTTCAGGATAAAGATGGGTGGACGCCACTGCATCTCGTTGTTTCAGGCTCGTCG
GACAGATATAGTCAGGCTTTTATTAATTAAAGGAGCTGATAAGACACTAAAAATGCGGGAGGTTTGACCCCA
TTGGACATTTGCCTCTATTCTGGTCAAGATACAAAACTTATGAACTAATAAAGCTGTTGAAACAGCTTCCAAG
ACCAAGTAAACTGCCTTCATAACAGTGATGATCACTTGAAGTAGCTTAGGCTCTGGAAGATCAACTATTGCTGT
GTTTCGTATGCCATAGTGGTCCAAGTTCTAAATTGGGTATGCTACTGGATTAACGTCGGCTCTTTGCTAGATA
ATTCTATAAGAGCAAATAGTACTGTGAAAGTGACATCATTGGAAACCGGGCTAGAAACATGTCTCTGCATGAG
CGTTCCAGTCGGACTTGAGCAAATGCATCTATAACAATGTCTGATTAATGATTATGGCATGCGAAGTCCCAT
GAGTATCTCATTGTTTTCTTTTCATGTTGAAAGTTGTAATCTTTCCCTTTGTTTTGTATCTGTTGTAATTAAT
AAGATTTTGAAGCTATACGCATATGTTTTATTGACTTAAGTTATGAACTTAATTGATGAACTCGAAGAGCATT
AGATTTCTTATTGATGATATCCCTTCTCTCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4193 HM363077|Chasmanthium latifolium photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB)
gene, complete cds; chloroplast

AATTCATCTATTCTTAACAATAGGGCCCGGAGACTTCTTGGTTCATCATGCTATTGCTTTAGGTTTACATACAACT
ACATTGATCTTAGTAAAAGGTGCTTTAGATGCACGTGGTTCCAAATTAATGCCGGATAAAAAGGATTTTGGTT
ATAGTTTTCTTGCGACGGTCCGGGACGAGGTGGTACTTGTGATATTTTCGGCTTGGGACGCCTTTTATTTGGCA
GTTTTCTGGATGTTAAATACCATTGGATGGGTACTTTTTATTGGCACTGGAAGCACATCACATTATGGCAGGG
TAACGTTTCACAATTTAATGAATCTTCCACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAACTCTTC
ACAACCTTATCAATGGATATAATCCTTTTGGTATGAATAGTTTATCAGTCTGGGCATGGATGTTCTTATTTGGAC
ATCTTGTGTTGGGCTACTGGCTTTATGTTCTTAATTTCTGGCGCGGATATTGGCAAGAATTGATTGAAACTTTA
GCATGGGCTCACGAACGCACACCTTTGGCTAATTTGATTGATGGAGAGATAAACCAGTGGCTCTTTCCATTG
TGCAAGCAAGATTAGTTGGATTAGCCCACTTTTCTGTAGGTTATATATTTACTTATGCGGAGGAGAAACCTCCA
CTACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTCACTTACCTAGTGCAT

>trans_s_4194 AF005279|Vigna unguiculata type IIIa membrane protein cp-wap13 mRNA,
complete cds

ATGTGTGGAATGAATCTTGCATTCAACCGTGAACCTGATCGGACCTGCTATGTATTTTGGACTCATGGGTGATG
GCCAGCCAATTGGAAGATACGATGACATGTGGGCCGGTTGGTGTGTTAAGGTAATTTGTGACCATTGTTGGGAT
GGGGAGTGAAAACAGGGCTTCCCTACATATGGCACAGCAAAGCCAGCAACCCATTCTGTAACCTCAAAAAGG
AGTACAAAGGGATCTTCTGGCAAGAAGAAATAATCCCGTTCTTCCAGTCGGTCGTCCTCCCAAAGAATGCAC
AACGGTTCAGAAATGCTACACCGAAGTGTGAAGCTAGTGAAGGAGAACTCGGCCCGGTTGATCCTTACTTC
CTTAAGCTGTCTGAGGCAATGGTCACTTGGATTGAAGCTTGGGATGAGCTCAACTCTGCTGGAGAGGACTCCA
ACGTCCTGCCAAGAAGTAGATTTTGTGAAGGAACAAGGGAAACACATTTGGATGCAATAGATTTGAGGAGTC
TATTGCTAGTTTTCTTTTACTTTTGCCATATTTTTTCCCTTCAGTATAATTTAAGGCTTAGAAGAATGTTGCTT
GTTATTTATTTTGTGTATCCTTCTTCCAAACATTGAATTGAGATTTAATAACATGGGTAGCTTTTGTTAATTTT
ATTGTGCCCTTCATTGAATAGTTTACTGAGTGCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4195 XM_002868849|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNA binding protein, mRNA

ACACATATCATATTCTTTACGTTTATTTTTCTGTTTTGCCAAAACATATATAGTATTAACCAAATGGCTTCAAT
GTCTGCTCATGGGTCAACTCAATGGACTGCAATTGAAAACAAAGCCTTTGAGAAAGCTTTGGCAATTTATGAC
AAAGACACACCTGAGAGATGGCTCAATGTTGCAAAGGCCATTGGTGGAAAACTGAAGAGGATGTCAAGAG
GCATTATCAACTTCTTCTGAGGATGTTAACCATATTGAGAATGGTCAAATTCCTTTCCCTATCGAACTCTAC
GAGGTCGAGTCGCTGACTGCTTACGACACGAGAATGGGAGAAACATATGAATAGACAAAATGAGACAGCTCA
TCAGAGTAAGGAAGAATAAAGGAAGAGGAAGAATCATTTACTCTCTATTGTACTTTGTAATGCCCTTTAATCT
AACTGTAAAAGTATCAATATTGAAAGAATAATAATTTTTGGATTTTCTTTTCTTGGGGTAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAAATTAAAAAACCCCCCA
CCCCGGGGGGGGGGCCCCGCCCCCATCCCCAAAAAGAGATATTAAAAACCCCCCCCCCGGGCCCCCT

>trans_s_4196 AY107866|Zea mays PCO063875 mRNA sequence

AGGTCAGTTATTGAATCGGAGCAACACCAGCATTATTCGTTTATTTGTTTCTTCCACCACCTCCTCCTCCCC
ACTCCTCCCCACTCCTCCTCGCTTTTCCCTTCTATTTTCTTCATCGGTATCAATCCATACTACCTACATCCATAGTC
GTCTTTCCATTGTTGAAGGAACCTACAACCTGCTCTGTGTCTTCGGAGCAGCCATGAAAGTGTTCCAAATCAAC
GACAGCACCTAACTCTCGTCTCTTACAGACGTCACCAATTTCAAGGAACCTTCTTGATTCTATGCAAGCTGG
AACTTTGGAACCGGAAGTTGCATTTCTCAATGCTTCACCTATTCCAGATGTTTTTCCAGTACTTGCGGCTGCTCA
TAAGACACTTGTTTCTAAGTCAAGAGGTTCTCTGACCACCGCACCTTCATTCAGAACTTGTTGTACAATTATTC
GGGTTCAAAGCATATTACAGAGTCTTTAAGAAGATGCGGAATTTCAAGATAGCTCCTCCTATGTTCTTGCGGCTT

>trans_s_4197 NM_001053125|Oryza sativa Japonica Group Os02g0290400 (Os02g0290400)
mRNA, complete cds

>trans_s_4198 GQ449684|Oryza sativa Indica Group erect panical 2 (EP2) mRNA, complete cds

>trans_s_4199 AF234652|Mesembryanthemum crystallinum protein kinase MK5 mRNA, complete cds

>trans_s_4200 EF051306|Gymnadenia conopsea 40S ribosomal protein-like mRNA, complete sequence

>trans_s_4201 Novel Gene

>trans s 4202 BT025338|Arabidopsis thaliana At3g17330 mRNA, complete cds

>trans s 4203 AY271665|Gossypium barbadense fiber protein Fb15 mRNA, complete cds

[illegible]

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCC
AAAAAGTTTATCAAACCCCCAACCTCCAGGGGGGGCCCCGGACCCATTCCCCCTAAAG

>trans_s_4204 X07014|*Pisum sativum* legJ gene for minor legumin

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAGGTTGAAAGACCCAAATATGGCATAATAATTAACGTTGGGAGAGA
GCTAAGCTTTAAGGTTGGTGAAGGGTTTACAATATATCGACTTTCATTATGATTGGCTAACGTTTTCCCAA
TTTTGGAATAAACACATTCAGACAAACCTTAACATGAACGATTCCAAGTTCGATTCTTGAGTATCAACCTAT
ATGATTCTGATTATCCAACAAGAATATATGAAGTTTCGAAATACACCGACTCAGATGCCCAAATTCAGATTCC
AACTAACAAACAAAACAATCGAGAAACCAATCAGATTTAAATGTAATGGCGTATGGAGGCGGATGAGTGTA
GAAGAAATCAGAATGAAGAACAGAATCAGAAAAGAAGCTGTGTGAGAGCTAGAAATCTGAAGCGATTCAATC
GAAAGCACATCACCCGTACTATGAAACCATTTGGAATTTGGTTGTAGAGGGCTGGAGAAGCAGGGCAACTTA
CAGAGAACCTGCAAGTTCTTCAGAGCCACAGATTTAACTGCTCTCCCTTTTAATGCCTCGGCCCTCTCTTGAT
TTGAATGAAATTAACAAAAACATAAACCTAATTATGGAGAAAAGAGATGAAATATTGGAGTTCTTACCGATG
GAGTGAAGGGAAGGTTTGGAGGCGGAACCTAGAGGATTGAATACTAAACAGTATTTATA

>trans_s_4205 AY104512|*Zea mays* PCO140322 mRNA sequence

AATCTATTAGAAACAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAATAGGGACAACCGCAGCAATCTCCAATTTCTCT
CCCCCGTTCTGTGTTTGAACCCCTACATTCTTCCTTCTCTCCAATCATGAAGCTTGTTAGGCTTTTGATGAA
GCTCAACAATGAGACTGTCTCAATCGAGCTCAAAAATGGAAGTGTGTCCATGGAAGTATCACAGGTGTCGAT
ATCAGCATGAATACGCATTTGAAGGCTGTGAAGCTTACTCTAAAGGGAAAAAATCCAGTCACCATGGATCATT
TAAGTGTGAGAGGTAACAACATCACAGATTACATCCTACCTGACAGCTTGAATCTTGAACTTTACTTGTTGAA
GAGACACCCAGGGTCAAGCCCAAGAAACCAACTGCAGGAAGGCCTTTGGGACGTGGACGAGGGCGCGGGC
GTGGGCGTGGTCTGACGTGGACGCTAGATTTGATGCAGTTTCAATTTTGGAGACCTGTAGTGTAACACTT
GCATTGTAGGGAAAGATTATGAATTTTGGGACACGAAAAAGTGGTATTGCAATTCAGTGTTCATCTCGTATG
TAGTTTATTACAATGCTATTCGTTGTTTTTCATATGATAGATGTAGCCTTGCTATGTTTCTGGTGCTTGGGAT
CTGTTAATGTTTGTCTAATATCATCACAATGATAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4206 EF207453|*Peridiscus lucidus* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CTATCCATATTCTACTAATCGATCAACCACCCCGCCAACATCCTTCGCATCAACAATGGAGATTTCAATCTCT
GATCCTCGTCCTCTTCTCTTCTTCTTACTACCGTTACACCATTCCTCATAATTACGTTCACTGGGTTCAAACCTCCG
ACTCTCATCTTTCTCCGCCGATCTCCCTGGTGTTCCGAAGGAGGAGATAAAAGTGGAAAGTTGAAGATTCCGG
GTACCTGATCATTGGAACAGAGGCTGTGGATGGAGTTACGTCTCCGGCGAAGAGTTTCTCCAGGAAATTCGG
CTTCCGGTTATGGTTGATGTAGATGGAATTCGGCTGGGTTTGAGAATGGAGTTTGGAGATTACGGTACCCA
GGTCGTCTTTAGGAGAAGAGCTGTTGCTCATTCTCCTGATCAACTTCAACTTCTTGCTCGGGCTGCTTGATCG
ATCAATTAGAATTGAGTTTGCTGCCCTCTGCTGCTTCTATTATTGTCCACTTTTCTTCTTTTGGTTGGTTGGA
AAATTTAATGGATTAATTGTTGCTGGAAATGGAGAAATTTGAAGCTCTGTATTGATAATTTGTGATGAATAGG
AAGAATTTATGTATCAACAAATTAATTTGTTGGGTTTACAAGTAGAAGTAAGTGTAGGATTGGATTGATCTCA
ATCAATGAAACTGTCTCTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4207 FJ896816|*Cucumis melo* aromatic amino acid transaminase (ArAT1) mRNA,
complete cds

TTGGAGCTGTGAACTCTGAAATGGACACAGCTTCAACTATCTCCATTAAAGGCATTCTCAGTCTCCTTGTTGAG
AATGCCGATGAGAACAAATGGCAGAAAGGTTGATTTCCCTTGGTATGGGTGACCCTTCTGCTTATTCTTGTTTCA
TACAACCCGTATAGCTCAAGATGCCGTTGTTGATTGTCTGAATCTGAGAAATTTAATGGCTATGCTCCCACTG

TTGGTCTCCCCAATCTAGAAGGGCGATTGCTGAATATTTATCTCGAGATCTTCCTTATAAGTTGACATCTGAC
GATGTTTTTATTACGTCTGGATGCACACAAGCAATTGATGTTGCTTTGGCAATGCTTGCTCGTCTGGTGCAAA
TATACTGCTTCCAAGGCTGGTTTCCAATCTATGAACCTTTGTTCTTCATTTCAGAATCTAGAAGTCCGGCACTT
TAATCTACTCCCTCAGCAAGGCTGGGAGGTTGATCTTCATGCCATTGAGACCCTTGCCGATAAGAACACCGTT
GCATTGGTTATTATCAACCCAGGGAATCCATGTGGAATGTGTACAGCTATCAGCATCTCAAGAAGATTGCTG
AAACTGCGGAAAAGCTTGGAATTCTTGTAAATTGCTGATGAGGTTTACGGGCATCTTGCTTTTGAAGTCGACC
TTTCGTACCGATGGGAGTCTTTGGATCAACTGTTCTCTCACCCCTTGGATCTCTT

>trans_s_4208 NM_001056140|Oryza sativa Japonica Group Os03g0257900 (Os03g0257900)
mRNA, complete cds

AAGTAAATAAATAAATAAAATAATAGTGAACCTGGGGAATCGGAATCGAGACTCCGGAGTTGGCTTCGAACGT
CCTACTTCCGACGAAATCAAGGGGATTTGACTGCTAATTCATGGGTACATTACAGGAAGCTCGAGAAAATCAT
GTGAAGAAGAAAGTAGAGGAAGCTTTACGCAGCAAAATGAAGCAGAAAGCGTTGAAGGAGTGCGATCATT
CGCTTCGAAATATGCTGAATGCGCTTATGGCAGAACGTTATCTGTCAATTTCAAGTGTCGAATCAAGCTAAAG
AATTGAACAATTGTCTTCACTTATACACTAACGACTCCGTGTTGGACGAGATGAAGCGGGAATATGCATTCA
ACATGATGGGAAGCCTTGAGAAAAGAGTATAACATTACCCAATGAGAACTGAAGATTAATGTTATGTATCAGTC
TCAGGCGCACTATCAGATGATTGTCACTGAAGTATTGATATTAGTAAGACTTGGACGAAAGTTGAGGCTTTTTT
CATTTTGTGATCTGAACAAGCAAAGAAATTCTGGTTTTTTGGCATAAGAATGATCTTTGATCTCTTCATGTATAA
AATTCAATGCTATTCTTCTACGTTNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4209 BT029333|Arabidopsis thaliana At4g10300 mRNA, complete cds

AGGAGAACCCCAAAAAATAAGGGAAATCAAAAAGTGGGATCTTGGGAATTGGGATGGCTTCCGCTGTGGAC
GGCTTCTTATGTCTAAATTTAAAGCCACGATCTCTCTCACCAAACCTACAAACGTTTCTTTGTACTTTGGGAAA
AGGGCACAGTCTCTTCAAATTCGAGCAGATTCCATGGCTACTGAGAGGCTGGGAATCAAAGTTGAGAAGAAT
CCATCTGAATCTAAGCTTTCTGAACCTCGGCGTTCGTCAATGGCCCAAGTGGGGTTGTGGACCAAGCAAATTCC
CATGGACATATTCAGACAAAGAGACATGCTATCTGCTAGAAGGAAAGGTAAAAGTTACTCCTGCTGGATCAG
ATGAATCTGTTGAGATTGGCGCTGGGGATTTGGTTGTGTTTCCAAAAGGAATGAGCTGCACTTGGGATGTCTC
TGTTGCTGTGGATAAGCACTATAACTTTGGTTAGTTCTACAATAGAATAAGAACTTGGTGTGTATTAATACTACTAA
TGCCTCTTTGAATGTTGATGAACCTCTTCTCCATGACTGCTTTTCTGTTGAACCTGATTTGTAGGTTCTATTATT
GAATTGCTTCTGTAACAACTGAGCTCATATGAAACCAATATCACATTTGAGATTGCTGGTTGTTGAGATTTTG
ATGCTACTAATTAGAATCTAAGTCTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4210 FJ079464|Pinus taeda isolate 8010 anonymous locus 0_7148_01 genomic sequence

AGGATCCTCTCTCCGAAATTTCCCGCATTTTGAATTTTCTCGCAGTTTCTCTTCTCCAAGCAGGCTCCAAGGAA
ACCTTCCGCCATGGCCACATTACAGCTTCCCCGCAAGGGAAATACGAGGCTGCCGCCGGAGGTCAACAGAGT
CTTGTTTGTACGAAATTTACCCTTCAACATCACCAGTGAAGAGATGTACGATATCTTCGGCAAATACGGGGCG
ATACGGCAGATTCGGATTGGTACGAACAAGGATACTAGAGGTACCGCCTTTGTCGTTTACGAAGATATCTATG
ATGCTAAGACGGCGGTGGATCATCTCTCCGTTTCAACGTTGCGAATCGGTATCTGATCGTGTGTACTACCA
GCAAGCCAAGATGAGTAAAAAATTCGACCAGAAGAAGAAAGAGGATGAACTCGCTAGGATGCAGGAGAAGT
ATGGTGTTTCCACGAAAGATAAGTAAAAGGTGTGATATGGAACCTATTTTTCTTAAGATTTTCTTAAGCAATCC
TGGAATTGAGTCGAATTGTTTGTACTTGAAGTTCTCTTTCTAGGGTTTAATAACTGTACCAATGTTCTTAAT
TGCTGGTCATGAGTGGGCGATGGTTACTAAAATTGACTGGTTTTCTTAATCTCTATCTGTTCCCGTTAATTATAA
TTAAATTGTAAGCATTTGTTCTTAATACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4211 XM_002871296|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transmembrane CLPTM1 family protein, mRNA

TCTCTACCGAGTTCTCTCTCTGCGCCTATCTCTTCGATTTCACAGAGGGAAGAAGAAAATGGCTACGCCCCG
GGTACAGGGAGGTCCCGGCGGCGGAGGAGGAGTAGCAGCAGCTCCAAGACCAGGACAACAGCAACAGGGA
GGTTTCGGACAGTCTTACTGGAATCATTAGGATCGCCGTCTTCTGGTATTTTCGCTTCTAAATTCTTCGCCCC
AAGAAGCCCTCTGATCCTGCTATTCTCATGTCCAATCTCTTTCAGAAGGGCGAACCGTTGGACATGTGGCTATA
TCTTCTGAGCATGAAAGGTTTGATGACTTTGGAATGAAGGTGCGCTTGTCTGGCATGAGAATGGTATACCC
TATGCTGTATGGGGACCAGAAAGTACCAGATCTCTTTCAGTAAAGTATTATCCATCTGAGGCTTTGAAACAA
ATGGATCTTGTATGCACATGTCTTCTTTCACGGTCAGGATACACTCCAGACCCCAATGACCCTGAGTTTCAG
CCTCTTGCTACATTTGGAAGGACACATCCTGTTGTGGTGTATTGCCCCAAGTCAAAGCTGGTAAAAGGAGGA
GTTTATTGGGTAATTCTGAAGGTTCTGATACTGGTGAAATTCTGAAAGAGGTTGTTGGTGATAACCAAGTTGA
TGTGAAAGATGATGGCCCTGTGGAGTGGGTTTCTATTGGAACCTAATGTTACTATTAATC

>trans_s_4212 GU980966|Lotus japonicus CIP73 protein (CIP73) mRNA, complete cds

GAAATTGACCAACAAAGATCTGGAGAACGGGTGATTGCAGCTGGGATGATAGATTTGAACCAGCATCAATCT
GACAATGGGTCCAGGCCACTATCTGATAGGTTTCATGGCACTTCTGGACATCCATCAATTCCCTCTTTAGGATC
GTTCCCTCCTCTGTGATTCTGATTCTTTGACAACCTTGTCTCAAAACCTCAGTAATATGAGGCGTGATTTTGA
AAATATTGGCAGAGTTGGAGGAAATAATGCCAAGAAGCTAATATTCATGGAGATGAGGAGAGCAGCTCTAA
TTCCTCATCTCGTCCAAGCACCAAGAAAGTTTCCCAACTCCTGCATCGTTGGCTGAAGTCATGCTTTCTAC
CAGACAAATGCTTACAGCGGAAGTCTCAGAGTGCCTACTTCAACTTGCAAGGCAACTGGAGAATCACAGAAAT
GTTACTGATCCTACATTAAGGATGAATACTCAGTCTTCTGCATGGAGAAGTGGAGTTCTATTCAATAACCTAGG
TGCATATCTCCTAGAACTTGGTCGCACTATGATGACATTGCGAATGGGTCAAAATCCTTCAAAAGCTGTTGTTA
ATGCAGGACCAGCAGTTTTTCATTTCCCAACTGGTCCAAATCCTATAATGGTTCAGCCTCTTCCCTTCCAACAA
ATGTAAGCTTAGGCCAGTTCCTATGGGTGCCATGCAGCCTGGTTCTGCACTAATTC

>trans_s_4213 NM_128609|Arabidopsis thaliana PSBW (PHOTOSYSTEM II REACTION CENTER W)
(PSBW) mRNA, complete cds

CTTTTCAAATTTGAAGACCAAACAAATCTAATGGCCGCCGTACCTCCGCCGCCGTGCCGCCGTCCGCACTT
CTCTGGTCCAGAACCGCCCCGCTCTGCCGTGGCTTACCCGCCCATTCCTTCTTGGGTTACCTGCCTTGGGA
AAGAAAGGAGGAGTGAGGTGTTCAATGGAAGGAAAAGGAAATGGAGAAGTTGAAAACAAATCAAGCAACTT
GGGGATGGGGGCGTCGTTGATAGCTGCGGCGTGTGCTGCAACGATGTCGAGCCCGGCCATGGCTTTGGTGG
ATGAGAGACTGAGCACTGAAGGGACTGGCCTTCCATTTGGTTTGAGCAACAATCTTCTTGGTTGGATTCTGTT
GGGAGTTTTTGGTCTCATTTGGGCATTTTACATTGTTTACACTTCTACTCTTGAGAGAAGATGAAGAATCTGGC
TTATCTCTTTAAGCCAACATTTCCCATCTTACTTACTATTATTAATTATTGCTACTTTTGTATTGTTGTGGATAT
TTTGCCTTTGGCTTGAACCATGTGGAAGCTTTTGAATTCATATCGTTCAAGCCTTTTGTTCGGGTATCAATGTAG
AAAAAGTAAATGTGGTTCATACTCTCGTTTTATTCTCTGAATTTTTTTAATATCGTCGAAGGAATTTATA
TGTTGTTTGATATCTGTAAAGTTTTTAAATCTAAGTTTATAAAACCTTTTTTCGTT

>trans_s_4214 AL161503|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 15

CGGGAAAACAGAGAAAGAAAAGAGGGCATTGCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCT
TTCGTTTATTTGTGCGTGAAATAACTGCTTGTTTGGTTTCCAAGAAAAAAATCTTTCTCTCGATTCAGGC
TGTCGCTTTCCTGGGAATGTTTATAGCCTTCCAAGTTTCTTCTTCTTCCCTTATCTACCATCTTCTTTTCAGCA
CATTTGCGATGCCAAGTACCGAAGGGTTTGGCGACCAAGGAAGAATCTCTTAGCAACCATCTGATTGTAACCTT

>trans_s_4215 EU236700| Pisum sativum developmentally regulated GTP binding protein 1 (DRG1)
mRNA, complete cds

>trans_s_4216_Y09506|N.tabacum mRNA for transformer-SR ribonucleoprotein

>trans_s_4217 DQ492695|Hordeum vulgare subsp. vulgare cultivar Calicuchima-sib zinc finger-CTT domain transcription factor a (ZCCT-Ha) gene, complete cds

ATACTCTCTTTCCTCTTCTCATGCGCACATTCTCCAAACACCAAAACATCAATGGCAACACCGACAACAA
CAACAATGGTAGAGGGAGCCATTATTGTCGTAATTTCCACTATAAGAGCAAGTCATTGCAAGGCTGCTTCTCT
GAATCCTAACTTAGGCAATGAAACTGCCACAACGGCTACATCATCGACACGGTGCAACACTCACCACAAGGAA
TGCCTCATTGGAGTCGAAGATGAAGACATTGAAAACCTCACCATTTCGAAGCTTATATAGACCAATTAGAGCCG
GTATTCGAACTGGAAATCCGAAACAGTCGGTATGTGATCGGGACTTCGTGGAAAGATATGGCGACATCAGGT
GTCTCGGCACGCGGTCGTCCCAACCGAAAGAAAAAATGTGGCCTATATAAGCGCAGCTGTTAATCACCAACACC
AAGTAATTAGAAGGTGTCCACAAAAACGTCGTGGTTTTACCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTT
TCTTTTTATTTTTATTTTTATTTTTAGATTTGTTGTGAAGTTATTTATATGTTATTTACTACCTACATTACTT
TATCTCGCTTGATTTATCTAATCGCTGTGCTTGCCTAAGCTTAGCTTCTTCTTTCACCTTCACATGGAAATTCA
CTGTTTATTTTGTGCTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4218 XM_002311983|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca1 (Lhca1-2), mRNA

ATTTTGGATTGACCTCTTCGGCTGGGAGAAGTGCCAGAGAACCTCGAGAGATTCAAGGAGTCTGAGCTAAT
TCACTGCAGATGGGCCATGCTTGCTGTTCCAGGGATTTTGGTACCTGAGGCTTTGGGATTGGGCAACTGGGTG
AAAGCTCAAGAATGGGCAGCAGTTCAGGAGGCCAAGCTACATACTTGGGACAACCAGTTCATGGGGAAC
TTGCCACCATTTTGGTCATTGAGTTCCTTGCCATTGCTTTGTAGAGCACCAGCGCAGCATGGAGAAAGACCC
TGAGAAGAAGAAGTACCCTGGAGGTGCTTTGACCCATTAGGCTACTCAAAGATCCTGAAAAGTTGAAGGA
ATACAAAGTGAAAGAGATCAAAAACGGTCGGTTGGCGCTATTGGCTTTGTTGGGTCTGTGTGCAACAATCA
GCATACCCAGGAACAGGGCCATTGGAGAACTTGGCAACTCACTTGGCTGACCCATGGCACAACAACATTGGC
GACATTATCATCCCCAGAACAATTCGCCTTGAATTTGTACTGAATCATACCAATTGTAATTAAGTTTCTGT
GTATTAAATCTGAACTCAAGGCTTTCCTCTATATGTGCCTTCGAAACGTGCTCTGTAAGTTGATTTGACCTTCA
TTTTAGTGCATGGTGTTACAATTTGAGGAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4219 XM_002875142|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal peptide peptidase family protein, mRNA

CGTCCGTTCTTCCTTCTCCGTTCTGGAGTTAAACCCTAAATCTGAAAATTTGTGAAAAAAATAAAATAATTC
CTTCTCTTCTTCGCGAGCTCTCCGATCTGCGTGGTCAAATCCACTCGAAGTCTTCGAGCCGCCGATGATTGA
GGGAGCAATCGCGAGACAATTATCTTAGTTATTTGCGGATTGATAGTCTGGTTGAAAGGTGTTAATTAAG
AACTGCCCCAACATGAAGAACGCCGAGCGCATTGCGAATTTGCTCTAGCGGGATTGACTCTAGCTCCACTTGT
TATGAAGGTTGATCCTAATGTGAACGTTGTTCTGACTGCTTGTCTAACTGTCTATGTGGGCTGTTATCGGTCTG
TGAAACCCACTCCACCTTCCGAGACAATGTCCAGTGAACACGCCATGCGTTTTCCCTTTGTTGGGAGTGCAATG
CTTTTATCTCTTTTCTTGCTTTTCAAGTTTCTATCGAAGGACTTGGTTAATGCAGTCTTGACATGCTACTTTTTTG
TGCTTGGGATCCTTGCTCTTTCAGCGACTCTGTTGCCTGCTATTAAGCGATATCTGCCAGACCATTGGAATGAA
GATGCTATTGTGTGGCGTTTCCATATTTCCGGGCTTTGGAGATCGAGTTCACCAGGTCCCAGGTGTTGTCAGC
AATTCCTGGAACCTTCTTTGTGCATGGTATGCTCTGAAGAGACACTGGCTG

>trans_s_4220 AF428345|Arabidopsis thaliana AT3g54190/F24B22_150 mRNA, complete cds

TAATTCTTTTTCCCCCTTCTTCTTCTCATTTTCTGCTCATTCTTATCTTCTTAGAACAATGCTTGTGTTCAATC
CCATCTGACTTCACTTGGACTCCACTGACACTCTCCAACCTCCCGGCGCCGCGGCCTCACTCGCCGCCTTACGG
GAACCAACCAACCCCGCTTCATCCTCCCTTTTCTTTGCTTCCCGGTAAGCTTTTTTCTGCTCTAGGGTTTCTAAA
TTTCACAATTTCCACCTCTTCTATTCTTCTCAATCGCTCGCGTATTCAAACCTTTTCTTCCAATTGAGTTCCTC
CTGGGGTTTAAACCTTCTGCTTTCCCAATTTCTTTCGGCAATTGGGAGTTTCTTCAAGGGTTATGTGAAATTC
GTTCTGCTTGGAAACAAACAGAAGTAGGAGAGCTTCTTGTTTGTGTTGGGGGAAAGTATTACTCATGGAAGGG
AGGAGGATTTCTGCTAGTCCTCGGCCTTGCTCTGGTCGGCATATTTTGGCTAAGAAACGACCTCGGGTGGATG
GGTTTGTTAATAGTGTTAAGAACCTGCACAGACGGGAGATATGTTTCAAGCGTGATCGTGCTTTTAGTATGAG
TAATGCTCAAGAGAGATTTGCAACATGCGTTTGATGGACGAATATGATACTCATGATCCATAGGCGCATTGT
TCACCCGTTTTACCTTTTCTGATGAAAAGGACAAAAGTAATTGAAATT

>trans_s_4221 AB182918|Citrus lanatus CLMT2 mRNA for type-2 metallothionein, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TCTCATAAATTAGCACATACTATTTCTTAAATTTCTTACAGAGAGCGAAGCAAATACTAAACAGACATGGATGA
ACACGGGATTAAAGAGCTAAAAACATCACCGACTGAACCTTATAACAGCATATAAAGTTTTTCCACAACCTCAT
GACTGCTATTATTCAACGGAACGCTACAATCGACACTTAAAAAGACGCAACACAACAGAGAACGAAAACGCTT

GGAGGTTTTATAATTGTTATTAAGAAGGATGCATACTATTAGTACTCGAACACAATCTCCACTTAAGAAGATTC
GAGCTGTTTTTGCTGCTGCTGCTGCTCATTACAGGTGCATGGATCGCAGGTGCAGTTGTCACCGCACTTGACAC
AAGTTCTCGGCTCCCATCTCTGCTACCTCGTAGGACATCTTCTGAGGTGCGAAACCGACTACGAAAGTCTCGAT
CGTAGCAGTGGTCTCTGAGAAGCTCAAGTCAGGGGAACTCTTGCATCCTCCACAGCCATTTCCGCACTTGACAG
GCAGAGCCGCATCCACAGTTTCCACCACAGCAAGACATTTTCGACAATGAATAACGAAGAACAAAAAGAATTG
AAAGTTTGGTTGGTAATCAGAGTATAACTTATAGCGATTGAACGAGT

>trans_s_4222 AY775031|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 20 (ACRE20) mRNA,
partial cds

AAGCTTTAAATACAGACTTCACACTTCCTGGAGTTGCCTCATTCAATGCTGAACTCTGGGGAGGTCTATGTGC
TTGTAAAGAGACCAATCAGAAGAACAATCATGATCTTCGCAGCTGTGATCGTGTAAAGCAAGCCATCTCCTCGT
GCCGAATTCGGCACGAGGCTTTACTCTTTCCTAATTCCATGACTTCCAACAACCACATCCCCAATCGGAATCT
GGATTCCAAGATTGGCTGCCGGTGATGGCCGGAACCTTGGGGGCGAGGGGCTGATCGGAGAGCTGTGTAA
TGGGTTCAATCTCCTGATGGATAGAGAGAAGGGAGTGATCAATTCGAGAGCTTGAAGAGGAATGCGGCGG
CTTTAGGACTTGGGGATTTGAGTGATGATGAACTCAGAGGAATGTTGAGGGAAGGGGACTTAAATGGCGAT
GGCGCTCTTAATCAGATGGAATTTTGTTCTTATGTTTAGATTAAGTCTGAATTGATGGAAGCTTCTCGTTAT
TGCTTCATGAAAGTCTTCGTCGAGAATTTAGGGATTCTTTTCTTGATTTGTGATTTTCTTGTGATGGAATT
AATGAAATATACTGCCAAATTCATAAACAAATTTGAGTCTCTGTTTCTCCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4223 GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

TTTTTGTCGGTCCGCTATGGTGAGCACCGGTCGGCTCGTCCCTTCTGCCGGCGATGCGCTCCTGGCCTTAACT
GGCCCCAACAAACAAGGATGATGAGAATTAGGAATGAGAGGAAAGAGAGGATGTTATCCATCCCCTCAAG
GTCTCGCTGGAAGATCTCTACAACGGTACCTCAAAGAAGCTCTCTTTACGTAATGTAATTTGCTCAAAGTG
CAAGGGTAAGGGTTCTAAATCTGGTGCTTCAATGAAGTGTCTGGCTGTCAAGGTTCTGGTATGAAAGTTTCC
ATCAGACACCTTGCCCCCTATGATTACAGCAAATGCAGCATCCTTGAATGAATGCAAAGGAACCGGTGAGA
CCATCAATGATAAAGATCGCTGCTCACAATGCAAGGGTGAAAAGGTTGTTCAAGGAGAAGAAAGTTTGAAG
TTATCGTGGAGAAGGGTATGCAAAATGCACAAAAGATTACATTCCCTGGTGAAGCAGATGAAGCGCCTGACA
CTGTTACTGGGGATATTGCTTTGTCTTACAACACCCCTCTACAAAAGTGTAAAGAGAAAGGGTGATGACCTC
TTCGTGGAGCATACCTTGCTCTCGTCGAGTCTTTGTGGTTTCAATTTATTCTGACTCATTTGGATGGCCGA
CAGCTACTCATCAAATCACTTCCCGGCGAAGTAGTGAAGCCTGACCAACAACCTCCTGAC

>trans_s_4224 XM_002321143|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS54),
mRNA

AATCACCGGGATCGAATTCTGCAGCTGGTCAAGAGCTTGTCTCCAAAAGTCGTGACGGTTGTCGAGCTCGAGT
CAAAAACAATACAGCACCTTTTTATCTCGTTTCTCCAGACATTAAAGTATTATACTGCTGTTTTGAATCCAT
AGATGTGACACTCCCAAGAGATCACAAGGAGCGAATCAACGTGGAGCAACACTGTTTAGCTCGAGACATCGT
AAATTTAGTAGCATGTGAGGGAACCTGAAAGAATCGAACGACATGAACCTTTTCAGGAAGTGGAGATCACGGTT
ATTCATGGCTGGGTTTAAGCCACACCTTTAAGCCCTTTGTCAATGCTACTATTGAGGCACTGCTAAAGAACT
ACTGTGACAAGTATACACTTGAAGAAAGGGATGGAGTTCTGTATCTTGGGTGGTTGAACCAAAATTTGGTTAC
CTCTAGTGCTTGGATTTGACACCCACATAGTTTCTAGTGCTTGGACTTGACACCCATATAGTTGTAATGCATT
TTTCCACTTCAAACCTATGAAAATATGTTTCTAATTAGGATTTCTTTTATTGATTTCTCTGGGAACCTTGTGTAGT
TACTATATGCATATTATGAGTGCTAAATAGGAAGAGTTCTACGCTAACTAGTACTTATATTTCCAGTATTTGAAT
TACATTGTAAAGACACATCTTCTGTGTAACAAATAATACGAGGTGGTTCATAC

[illegible]

TCTGAACAAGTTTATGGCCTTTGAAACGCGTGATCCATTCCTTATCCGCCAGGAACGTGAGAATCCTACTTTGA
CAGAGTGGGATCGTTTTGCACATAGAGAATATATTCGGCTCTCTATGGAAGAAGATGTTGAAGATGCCTCCAA
TGGAAGTGCAGAGGTTTGGGATGAGTCTCTTGAAGCTCCATTCTGAGTGAATTGGGGAGCAGATGTATAAGC
GGCTTGGCTTGAAAATTTTCGTTTTTAAATTGGCCACCAGTTGAAGAAATATACCGATGGATCAGTTCTTATGA
ATGAGACTGCAGACCGCTACAAACAACCATGTTAGAGGGGAGGGGCCTTTGCAGCTTTTACTTATGGAATGTC
TTCTCTAATGTTGTTGCTCTTCTCAAACACGAATTGCAGGTCTCTGATCGCTGCTTTGACCAATTGCGTCTATCG
CATGGGAACATCCTGTAGATTGTACTGATACGACATTCTGTAAGTGCTGTCTGCTTGGCACAGGTCAATAATG
CAAGGCCATTTATTAAGTTTAGAACACTGCCTTCCTTTTTTGCCCTTCAATCTAAGCCTATTTATAATAGATAG
ATATCATCTAAGCCCCTCTTTTTGCTTGTAATTTTATTCTGTTTCTCAAATAGGGAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAA
ACTCTTCCCTTGATTGTCTTGGGTGGTCCTCTGAAGCTTTCATTGTATGACTC

[illegible]

ACTGGCCCACTCCCAATTC CCAAAAATCCCCTAATCCCAATTCACATCTTCTCAATTTTCCACAAAATCCTCAA
TTCCCTTACCTCCATCCATTT CATCCCATCAATGGCTTCCACTTCCGCTGTTTCAATGGCCTTACCATTCACCCA
CGCCACCCACAAACCACTCTCCAACGACGCTTTCTTCAACCCATTGCCTTCTTTAAGTCCC GCAAGCCCATCGC
TGCTGCTCCCATTTCCAACGGAAGGATCGTCGCCGTTGATCGTCGTTGAAGGAGAAGGCTGTTGCTGGAATC

>trans_s_4229 M21344|Tomato photosystem I (PS I) reaction center protein subunit II (psaD)
mRNA, complete cds

>trans_s_4230_U77935|Phaseolus vulgaris DnaJ-like protein mRNA, partial cds

>trans s 4231 GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_4232 AF265664|*Solanum tuberosum* resistance gene cluster, complete sequence

CTGCAATAACAACCCAATAACTCTCTTCTTGTAAACCCCAACCATCCATATTATTTATAGTCCTGACAAACTTTTCT
TTCTAATTCCATTTTTTCATCAAAAAGAAAAATGAGAATTAGAAACAACCCATCGTTATTGTTAATTGGTTTGT
TTTGTTATTGCTTTTGAGCTGCTCTTGCTTGACTTCAGCTGATGCAAAGCAATTTCAAGGCCATGGAAGAAGCTC
AGAAAAATAAATTGAATGAAGATGGGAAGCCTTATGTTATTGCTCGTCATTATCCAGAAGACGGTGGTTCAAA
GAACCATCACTTTATCCCAAGAGAAGCTTTCAACAACCTATGGTGGGAGTGATAATGGTGGTGGCTAACACGC
GTTTGGATTGCTTTCTAGGCGTTTATATAAGTGTTTATAATGCAAAAAAATGTCAATCCTTATAAACACTTAG
AAAGATTGTCTAAACAAAACCTGAAAATTCACCTCTCTCCAGTTTTTTTTCTTTCTTTTTTAAGGTTAGCAATCAAT
CTAGGGGAGTAATTTGAAGTCTAACCTTTTAACTCTGTCTAAGTCGGTTGAAGTACTAGACTATGAATTGCATTG
TGTGTACTTAGAGTATTGTTTGTGTTGCAACAACATCTTAGGCAAAGAAACAGTTTATCAAATATATGATAAAG
GTTTGAAATTTGCATGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4233 XM_002881984|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* eukaryotic initiation factor 3
gamma subunit family protein, mRNA

AGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACATATATGGGTAATAGAGACTGAGGAGATAAGTTATAACACC
GTGTTCTGTAAATATGGTGGCCTTCTTGATACACGATGAATCTTTTTCTCTCGTGTGGCTAGGTAAAGAAGG
CAAAGTGTGGGGAATAAAGACGCAAAATGAAGGTAGTTAAAAAAAAAAAAAGAGAGAGAGCAACAACCTCTA
AGAAGTTTAAAAAATACTCAAAACATTTTCTTTTAAACGGCAACTAAAGGGATCCATTTATTGTTTTGTGGGATG
TTGCCTTTGTTACATAAATTTATTTCTTTTTGTCTCCTTGATGATGGGCATGTACTTCTAACCATGGAGAATCTT
GATTTTCGATATTCTCGGAGGCAAAGAACCTCAAGCCGTAGGGAACAAGACAGAAATAGTACTGGAGAGGAA
GTAAAGATGCTGGCTGATCTTCGTTGTCGTTAATTTAGAGAGACTGGCTTTTCTTTGGATGCTCTGATTGCAGC
TCTGCTCGATCTCGAAGGCTTTTTTCTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTCTCAAGACATATCTTCTGC
TCTCTAAATGTCAAATGGAATAACTTTGCATATGATGTTTAACTTTTGAATATTGGACTTGATAAATTGTGCCC
GTCGGCGCATCTTGATGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4234 U97530|*Prunus armeniaca* ethylene-forming-enzyme-like dioxygenase mRNA,
complete cds

AGTTGTTGGTGAGTACACTACTAATGTGAAGCTGATAAGTGAGAAAATCCTCAAGGCCATGGCAAGGTCGTT
GGATTTAGATGAGAGTAGTTTTCTTAGCCAATACGGCGAGCAAGTTAACTTGACGCACGGTTCAACTTCTAC
CCTCGATGTGCAAAATCCCGATCTTGTTCTCGGTGTTAAGCCACACGCTGATGGATCAGCCATAACCATTTTGT
GCAGGATAAGGAAGTAGAAGGTCTTCAGTTCATGAAAGACAATGAGTGGTACAATGCTCCGATTGTTACGGA
CGCTCTTCTCGTCAATGTGGGGGATCAAGTAGAGATCACAAGTAATGGGATATTCAAGAGTCCAGTTCATAGA
GTATTGACAACTCAGAGAGGGAGAGGATATCCTTGGCAGTGTTTTACCTTCCAGATTCAGAAAAAGAAATTG
AACCATTAGAGGAGCTGATTAATGAAAGTCAGCCAAGGTTGTACAAGAGTGTGAAGAACTTTGTTGGGCTTT
ACTTTGAGTACTACCAACAGGGAGAGAGACCAATGGAGGCTGCAAGAATCTAAATTTGTTCTATGGTGTTC
GCTCTACCCTCTATCTCAGTTTTTGAGTAATGCATGGGAGGGTAGACTCGAAGTTGGAGGTTGATAGTTTGAA
CTTGAAATATTTTTAAGAATTTGGTGTAGTGTAATAATTAATAATAGATTGAGGTTGATT

>trans_s_4235 AF412096|*Arabidopsis thaliana* AT4g28060/T13J8_170 mRNA, complete cds

AACATCTCTTCTTCGTTCAACTTAACTGCGTCTTCCTCTACGTTGTATTAGAGTCTTCCGTTTGATCTCCAAAAT
TTCTAGGAGCTTCAATCCGATCAGTCATGGACGAGATTGAACTGAAAACAGCACCTGCTGACTTCCGATTCCCT
ACTACAAATCAAACAGGCACTGTTTCACTCGTTACATCGAGTTCCACAGGTGCCTGACTGCAAGGGTGAGG
AGTCTGGTGAATGTGAAAGATTTGCAAAGTATTATCGTGCTCTTGGCCTGGTGAATGGGTCGACAAATGGAA

>trans_s_4236 AJ620905|Antirrhinum majus mRNA for STYLOSA protein

>trans_s_4237 EU243336|Nicotiana benthamiana bypass1 mRNA, complete cds

>trans_s_4238 AB072391|Nicotiana tabacum NtSIP1 mRNA for 6b-interacting protein 1, complete cds

TCTCCATCTTCCCTTCCCTTCTTCTTCTCTCTTTCTATTCCCTATCTTCCGATTTCTCATGGGTGATCTCACCGAT
TCTCACACCCCTTCTCTGCTAACTCTCGCCAAGTTCCTTCGCGAGGATTGTTGGAGCGAGGACGCTACTTC
CACTCTCATCGACGCTTGGGGTCGCCGATTTCTCGAGCTTAATCGTGAAATCTCCGTCAGAAGGACTGGCAA
GACGTTGCCGATTCTGTAACTCTCTCCATGGTCTTACCAAGAAGACCCATCGCACCGATGTTCAGTGTAAGAA
CCGGATCGATACCGTTAAGAAGAAGTACAAGACCGAGAGGGGCTAGGGTTTCTGCTTCCCATGGAAATTCGTT
TCCTCTTGGCCTTTTTATGCTCGTCTTGATGAACTCATTGGCCCTACTGTTTCCATGAAGAAACCCTCTTCTCCTC
CTTTGGCTCTTCTTTGCCCTTCCGTAAGACGCCTCCTCCTCCGCTGCTGCTTCTTCTGCTATTGTCGCTGTCTC
TCAGAAGCGCCTGCTGCTGCGATGGAACATGTGTCATTTGCGAGGAATTACTCGGCTACGGCGGCTGCTGC
TGCTGCGGTTGCATTGTCGAGGAGGAGGAGGATGAAGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGAGAGTGAAG
CGACGATGAAGAGGCGGAAGGGGAGGGTATGAGTAGGTTGGCAAGAGCGAT

>trans_s_4239 AB185851|Glycine max Gm pdil-2 mRNA for protein disulfide isomerase-like protein, complete cds

AGATGAATCGAAGGATGTTCTCCTTGAGATTTATGCTCCTTGGTGTGGGCATTGCCAAGCACTGGAACCAACT
TACAACAAGCTTGCGAAACATCTACGTGGCATCGATTCACTCGTCATTGCTAAGATGGACGGCACAACAAATG
AACATCCCCGGGCGAAGTCGGATGGATTCCCAACAATTCTATTCTTCCCTGCTGGAAATAAGAGCTTTGATCCT
ATCACGGTCGATACGGATCGGACAGTTGTAGCATTTTACAAATTCCTAAAGAAAAATGCATCAATCCCTTTTAA
GCTACAGAAGCCAGTTTCAAGTCCAAAAGCTGAAAGTTCTGAAGACAAATCTAGTGATGCAGAAGAGAGCAC
AAAGAGCACTGACTTAAAGGATGAATTGTGAAGACGTATTATAGTTTTGTAAGTTATATGCATCTCTTATTTCC
CTCTTTTTATTGCTTTGCAGATAATGTAGACGATAAATACGAGAGACTAGAAATTA AAAAGAAAACCTTTTTTTC
CCTATTAGAGAAGTTTTGATAAAGAAACCACTCCTAATTTTCACTATTTTCTAATAAGAAGACAGAAAGAAGA
GACGAGTCCTTTGGTTTTTGTAGTGATGCCCAAGGAGAAAAGGATAGCGTGAACATAATAACATAAATACAATT
ATTTGTTTCTGATTTTAGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4240 NM_118364|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L7Ae/L30e/S12e/Gadd45 family protein (AT4G22380) mRNA, complete cds

AATCCATAGCTCTCTATCGCCGTTCTAAAACCCTAATTTCAAAGTCTCATCTCCTCCTCCAAAGTCCTCAAAAT
CCTTCTTCTCTGTTCTCTTAATCTTCATACGAACAATGACTGCAGAGCAAGTGAACCCCAAGGCGTACCTTTTG
GCCGACGCTCAACTTACAATCACCATTCTTGATCTTGTTCAACAAGCTACTAACTACAAGCAAATCAAGAAGGG
CGCCAATGAAGCAACCAAGACGCTTAACAGAGGTATATCTGAGTTCGTCTGTAATGGCTGCGGATACGGAGCC
TCTTGAAATCCTCCTACATCTTCTCTGTTAGCTGAGGATAAGAATGTGCCCTATGTGTTCTGTCCTCATTAAGCA
AGCACTTGGCCGAGCCTGCGGAGTTACAAGACCTGTTATAGCTTGTCTGTGACAACAAACGAAGGAAGCCA
ATTGAAGTCGCAAATACAGCAACTTAAGGATGCGATCGAGAAGCTTTTGATTTGAAGATGTAGGGAATGGTG
ATTTGGTATGATGGGCTTCTTGTTTCATAGTGTTTCGCTCCCTTAGAGGCTTTGACTGATGTGAGTTGTGCAA
GTAGAGGAATATGTGTAACAAAACACTACAATTTTCTTTTCAAGAGATACGATTTATTTTATTAAAAATGATA
ACGTGATCCTTCATTCTGTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4241 AB008848|Cucumis sativus Csf-3 mRNA, complete cds

ATTGACCTTATTGGTGTGACCAAGGGTAAAGGTTATGAAGGTGTTGTCACTCGTTGGGGTGTTACACGTCTCC
CCCGTAAGACTCACAGGGGTCTTAGGAAGGTGGCTTGATTGGTGCATGGCATCCTGCTAGGGGTGCTCTTAC
TGTTGCGAGAGCTGGTCAGAATGGTTACCACCACCGAACTGAAATGAACAAAAAGATTTACAAAATTGGAAA
GACGGGGCAGGAATCGCATACTGCTATCACTGAATTTGACAGGACCGAGAAGGACATTACTCCCATGGGTGG
TTCCCTCACTACGGTATAGTGAAGAGCGACTACTTGATGATTAAGGGAGGTTGTGTTGGACCCAAGAAGAG
GGTCATCACCTTCGTCAGTCACTTCTCAAAACAACTTCTCGTGTGGCTCTTGAGGAGATCAAACTTAAGTTCA
TCGATACATCCTCTAAGTTTGGCCATGGACGCTTCAGACAACCTCAGGAGAAACAGAAGTTCTTTGGTCGCCTC
AAGGCCTAGGTTTAACTGCCTTCCTTTATCCATGGTTGTTTTGTTGGCTCCCATCACCCCTGAATTTTTGTTATCT
ATTTCTGTTATTTGAGTATTTGAGTAGTGGAAGTTTTGTTAACTTAAATTTGAACTTGATAGTTTACTATT
AATGAGACTTAATTCACCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4242 AY436553|Thellungiella salsuginea pyrophosphate-energized vacuolar membrane proton pump (vp1) mRNA, complete cds

CCAACCGTTAAAAACCCTTTCCAATCGCTGCAGTTGTGTTTCCAGCAGCATCAAGGGCATCGGTTCTCTCCCGA
ATTCTGTGGCTCATGCCAGCCATCTCTGCAATGCCTCCAGCATTGTCACTGATTGGACCGTACGCATCGATGGC
CAAACCAAGTAGCAATTGTACTCAACATTCCAAGGGCCGCAACGGCAATGCCATACATTGCAGCAAAGGAGAA

ACTCACAAAAATACTAACTGCAATTGCAAAGATAGGGATAATGACAGATTTGTATCCCAAGGCCAAGCCAAAA
ATAACATTTGTAGCAGCTCCAGTTCGACAAGAATCAGCAACATCTTGACAGGGCTGTATGCATTGCTAGTAT
AGTACTCTGTCAAAATCCTATTATCAGCCCAGCCCCAAAGACCAACAGCAACGCACAAGAAAAGTTCCAGTT
CTGTACATTCTTTTGAGTTCCAAAGTTGAAGATGGTGAATTTTGCTGGAACACCCACCCAAGTAACAATTGCAA
TTCCAAAGGTCATTATAACAGTGGAATAATGAGTTGATTTTTCAATGCTGGCTCAATTTCTTAACAGCCTTG
ATCTCAAAAAAATCCGTTGCAAATAAAGTGGTGACCAGGCAGACAAGGATACCCATAGAATAACGATGAGT
GGATAGAGCATTGCTGTGAATCATGGTTGTTGCCGAAAGAGGAGATAGAAGCAAC

>trans_s_4243 XM_002871357|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein,
mRNA

TCCTTCTTTACACTTCACTTCACTTCACTTCTTCTTTACACTTCACTTCATTTCTTATTTCCAATTCCGTCGGAAC
CGTCGGTCCTTTCTCCGATCTCTGTTCCATAATTTGGGTTTCTCCATAGCCTTCAGATTTCTTCTGTTTCTGTTT
TCATTTTGGTCCACCGGCGGGTAACTAAAGCTCCGAATTGTTGGTGGGTTTCTTCTGAACTTCAGATCTCGTC
TTCGAGCCACTTCCTTCGTCCTTTAAGGACTGAGTTGCAATGTCGCTTCGAAATCTGGTTATGTTGCTGCTGAT
GGTGATTTTTGTTACACGAGCGGTGTGATTACGTTACATCGAGGATACTTCACAGGTTCTCTGAGGAAATG
AAGGCCCTTAGGGTTTCAGTGAGTACGAATACGAGTGTACGAGTATCATGGCCTGAGAAGGGGAGTATGGA
GTATTATCAGGAGCTTGTTAGTGGTGACTTTCGAAGGCAGAAGATGAAGCTTGGTTCTCGGTTTCAGTTGCTT
TTCCCGTCTGAAGGAAGTAAACCATTCGCTGGGAAATGATTTTGGCTGGTCACCACTACTCTACCTTCCTTC
TCCTTTTGTCTTACTATTTTTATTCTTCCGTTTGCATTTACTTTTCTGTTTGTCTTTCTTTCTGTTATCTCTCT
CCCCACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4244 EF415821|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 018BT22M41-148.0 mRNA
sequence

TGGTTGATGTTCTGGAGACTTCTTTCTTCCTTTTATCATTGTTATTTCCAATTCCCATCATCCAAAATTCTCAT
TCTTCATTCTTCATTCTTCATTGTCACAATGACTCATATCCTTCATTTCTTTCTTCTTGATCTGTTTTTTCTCT
TCTTCTAACAAACCTATTTCTTTATCTCTTTAATTTCTTGTAAGATTATTTCTGTGATTGATTCTTGATAAA
TAGCTGCTGAGATGATGATGACGATGGTGATGGTGATGATTCTTTAACTAAAGAGAGAACGCGGAAAT
CAGAGAGAGCGAGATAGAGAAAGGGCTCAAGCTAGGGCTGGAAATAATAAGTCTAAGCAACCAAGAAACGA
TGGCTTAACTCCTGAACAACGACGTCAAAGGGATGCAAAGCTCTTCAGGAGAAGACAGCGAAGAAAGCCGA
AAGGGCTGCCGAGCAAACAACCTTCGATGGCGGCAGTAAGAATAAGTAACTGCAGATTCAGTTTGGAGTATA
TATAGAAGAAGCTTATCGTAAATTCATCCACTTCTTTCTGGATTCATTTGTATTTGAACAATTTTGAATTTGGT
TTGGAATAGTTGGTGCTGTAGTTTTTGTGGGGTTCAAATTCATCTGTTTGAATGAGAATTATGTCAATTTCTC
CCCATTCGAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4245 NM_001061503|Oryza sativa Japonica Group Os05g0227700 (Os05g0227700)
mRNA, complete cds

GAAGTAGTAATGTTTTGAAGGTATTGGGATATTTAGCATGGTTGGATTACTTCGGGTTCAATGCCTGTTAGGT
GATTATCACTGGTTTGAAGTGCTTACTCCCAATTGACATAAGCCAGCAAGGTGTTTTACGAGTGTGATTGG
AAGCCATATTACTATATACCATACGGGTTTGCCAACCTAATGTTGCGGCGGTATGTGGACGCCATTCATG
AATTTAACCGAATTCTCTGTATATTTATAAAACCAAGCAATACCACCAGAAATCTCCTCAGTATGAGCAGATT
CTGAAGAAGAACGAGCAGATGTATGCCTTGTGGCTATATGTGTTTCACTCTGTCCACAAGTGAAGCTTGTG
ATGAACTGTGAACTCTCAGTTGCGGGAGAAGTATGGTGAAAAGATGATCAGAATGCAAAGGTATGACGAG
GAGGCTTTTGCCATCTATGATGAGCTTTTCTTATGCTTGTCCGAAGTTCATCACTCCATCTGCTCCTAGCTTT
GAGGAGCCACTAGTAACTACAACCAAGATGCCTATAGACTTCAATTGAACTGTTTCTTTACGAAGTAAAGC

AAAGAAAAATCCATGCACTTATAATTATTATTGAATTGAAAATGGGACTCTTCGACTTCAATTCAAGTATTTTG
CTCTCTGAAAATGATGTGAAGTCCATGGAATTCACCTTTCTTTGAGATATGTCAATCCAAAGAAGATGATCA

AGAAGAAGATCGACAAGAGGAGACATTAATGGAAGAAGCAACTCAGTCGTTCAAGATGATGATAATGGGT
TCAAACTCCAACATCTTTGGAGCATAAAATTCCCACAAGTATTCAGTGCCCGATGGCGCCGAGGAAACCAAA
ACCTCGACGGTTGACGAAGCGGAAGGCCGTGGAACGACACCGGTTGTTGCTGGATCTGTCCTCTGAGATTCA
GTCTTTGTTTCCAGCTGAGTTTCTTGTAAGCCTTGGTGGTAAGATCAAGAGGGTTAGACAATAAAAGAACTT
AAAACTTTGATCCATAACTTTACAAAAAAGAATGTACTACTATTTCTTTCTCTTGGGTTTTCTTAGTTCTTA
AAATTGATATTGTAGAAATTAATATCTGTGGTTAGATATCATCTTCTCCGGCTGACTTCTATCTTCTCCGGC
GGCCGCGAGGTGCAACTTTGTTAGCTTAAATTATCTGAATCTTTAACATAATATCATAACAAAATTTATGAAT
CTCTCTCTATTTCTTTTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4250 NM_001189428|Oryza sativa Japonica Group Os11g0152900 (Os11g0152900)
mRNA, complete cds

ATCCCAAATCGAAAGCATTTCTGTAACCCCTCAAAAAGATAACACAGGCAAGAAATCACAGCGATGGGCAAC
TGTTGCCGAAGCCAATCCTCTACGATGGTCTTCGCCGGCGATGATTGGGGCTCCTTCAGTTCCAAGCACGGTC
GTGGTTGCGGCGGAAACGCCACAACCTCCGGCGGCGATCCAGAGAAGCATAGATTACTTGGGGATCAGAAG
GAAGCGGCGTCGTGTTTCGAGCCGCTAGTGAAAATCAAGATGACGAAGAGAGAGCTTGAGGTTCTGGTGAA
GAAGCTGGAGATGCAAGGACTGACTCTAGAACAAGTTATTGAGCGGATGATGAAGGGTGAAGAAGAATACG
AAATTGAGCATCATCGATCGTGGAGGCCTTCTTCAAAGCATTCCAGAGGATTACTGATTGTGTAAGAAGAA
GATAGGGAAAGGAAATTCGTTGATTGGTTTTGTACAAAATATATTTGATCCGTTGTTAGTCATTGATATTTG
TTTTGATTGTACATGAAAATTGGTTGCCGTATTTGTAGATTTTAGGGCAGATTGCAATTTATTGGAAGGTGGA
GAAGCATGTGAAGAAAGATTAAACATGAATTCAGATTTTGATTTTTTTTTTTTTTAAAAAATAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4251 XM_002870229|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein translocase, mRNA

ACTGTCAAGTTCAACGGATTTATCCAATCTGATTCTCCACCGCTCACCGACAGGGAAAATGGCCGTTCCGATTT
CCCTGAAATTTCCGACGGTTCCATCCACTTTAACCAACAGAACCGCCTCCTTGTTCTGTAACCTACTACGGCAG
AGCTCCACTCATCTTCTCATCCTCACTCACAACACACGATCAGACTCCCAACGATTAGATCCAACAGAAACATT
AAGTTCTCCGCCGTCAATGCCGTGCAGGAAAGCCAAGAGAATACAGAATCCGACGGGGTGGAGGTTCAAGC
AGGGCCACCAACGGAGGAGCCGAAAACGGCCGACCAATCAGCAGAATCCGGCGCGAATTTGGGCGCCGAAA
TTCAGGAGGCTTTGAAGCAGCGAAAGGTGGAGAAAGAAGGGGACCTGATCGGCGGAGTGCGGAGGAGAT
TAAAGAGATTGAATGGCCGGCGTCTCGAAAGGTTTTGGGCACGACGGGGTAGTGATCGGCGTTATTGCTGG
CTCTAGCGTCGTTCTGCTCACTGTGAATGCCTTATTGGCAGAGCTGTCTGATCGAGTTCTCGCCGGAAAAGGA
GTTGAGGATTTCTTTAGTTGAAAGTTGATTTTTTCTTGAGATGTAACTTTGTAACCTAAATCTAATGGCAT
CTATGGAAGAACTGGATTGTAATTTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4252 NM_001185708|Oryza sativa Japonica Group Os01g0834601 (Os01g0834601)
mRNA, complete cds

AAAGCGATTAGGGTTTTAGTTACCGCCAGTCAGTCTTCACACACTGCTTTCGAATTTGGGCGTTTCTTGAAGAA
GTTTGCTGCATCTTCTTATCCGCAATCATGGGGAAGACTCGTGGAATGGGAGCTGGTCGAAAGTTGAAATCT
CACCGTAGAAGGCAGAGGTGGGCAGACAAGGCATATAAGAAATCTCATCTTGGTAACGAGTGGAAGAAGCC
CTTTCAGGGTCATCTCATGCCAAAGGGATTGTGCTTGAGAAGATTGGAATTGAAGCCAAGCAGCCCACTCT
GCTATTAGAAAATGTGCTCGTGTCAATTGATTAAGAACGGGAAGAAGATTGCTGCTTTTGTACCTAATGATG
GCTGCCTCAATTATATCGAGGAGAATGACGAGGTATTGATTGCGGGGTTTGGACGTAAGGGTCATGCTGTGG
GAGATATTCTGGTGTTAGGTTCAAGGTTGTTAAGGTTTCTGGAGTTTCACTTCTTGCTCTTCAAAGAAAAG
AAAGAAAAGCCAAGATCCTAGAAAGAACCCTAAAACCAACCCACCTCCCCAATGAGAATGACACTGTTTCTTT

AAAATCAAATTTTGATGTACAACCTCTTTATTTTAAATTTCAATGACACCACTGCCGTTATTGTTAATTTGGAAT
GAAATCGTATTCAAATCATATTCAATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4253 AB063192|Cucumis melo CmEIL2 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

CTGGGGTTTAAATAATTTGCTTTTGTATCCTAACTGTGGTGCCATTATTCAAACGATGAACACCATGGGCATCT
TTGAGGATATTAGCTTTTGGCGAAATCTTGAATATTTTCGGCTCCTCCTGGAGAACAAGAGACAGCTCAGGA
GCATGAAGCTGAAGCTGTTTTGGAGGAAGATTATAGCGATGAAGAGCTGGATGTTGATGAGCTTGAGAGAA
GGATGTGGCGTGACCGAATGCTTTTGAGGCGACTCAAAGAACAGAGCAAAGAGAAGGAAGGTGCTGATAGT
TCAAAGCAGCGTCAATCCCAGGAGCAGGCCCGAAGGAAGAAGATGTCTCGGGCTCAAGATGGGATCCTGAA
GTATATGTTGAAAATGATGGAGGTCTGTAAAGCTCAAGGGTTCGTTTATGGGATTATTCCTGAGAAAGGAAA
ACCAGTCAGTGGAGCTTCTGATAATCTTCGTGCATGGTGGAAGGAAAAGGTTAGATTGATAGAAATGGCCC
TGCAGCAATTGCCAAATATCAGGCAGACCACGCAATTCCAGGAAACAACGATGAGTGAATACAGTGGCGTC
CACTCCTCACACCTTACAAGAGCTTCAAGATACAACCCTTGATCACTTTTGTGAGCTCTGATGCAGCACTGTG
ATCCACCTCAGAGGCGTTTTCCATTGGAGAAGGGAGTTTCCCCGCCGTGGTGGCCAACCTGGAA

>trans_s_4254 X13134|Spinach mRNA for photosystem I subunit V

CTCTTCTCGACCAAATTATATGATCCTCTCGTATCCTCCCCTCAATTATCCACTCCAAATCTCCCACACAACAATT
TCACACCTCCAATGGCCGCCGCTCCTCCTCCGCCGTCTTCGTCGCCCCAACCTTCTCGGCTACCGCCACGAGG
CAGCAGCCCAGCCCCACCACCATATCGTTCCAAGGCCTCCGTGCGCTCCCCAGCGTGAAATCGAGCCGGTCGA
TTGTTGCGACAAAGACCCGGAGATCGATGACGGTGAAGGCGGAAGTGAATCCATCTCTAGTGATAAGCCTAA
GCACAGGGCTGTCCTTGTCTTAGGGAGGTTTGTGTTCTTCAATTTCAAAGGGAGAATGTGAGCAAGCAAGT
GCCAGAGCAAATGGGTTAACCCATTTTGAAGGCTGGTGATGTTAGGGCTAAAGAATATGTTAGCCTCTTGAAA
TCTAATGATCCTGTTGGGTTTAATATTGTCGATGTTCTTGCTGGGGTTCAATTGGTCATATTGTTGCTTATTAT
ATCTTGGCTACTTCTAGCAATGGATATGATCCTAAGTTCTTCTAGTTGTTGTTGTTATTACTGTGGCTTTGTATA
GCTAAATCCATCATTTATTGCTTTTGAAGAACTTTGTTTTGTATCTTTCTCTAATGGGGTTTTTGTGGAATGATA
TTGGGAAAATGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4255 XM_002327060|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP82C5v1), mRNA

ATGGTTTGTAGACATAACCATCAACACCATGTTCAAGATGGTGGTCGGAAAGCGATTTGCGACTGCCTTTGAC
GACCATGTAAGCCGTGAAAAGTGTCAAAAGGCGTTGGGGGGTTTCTTTGAATTCCTTATAAAATTCATTCCTTC
ATAATCGTTTTCTTTTTTAGTTGGTTGGATTTAGGAGGACACGAGAAAGCGATGAAGAAGACTGCACAAATA
TTAGATGAGACCTTTCACAAATTCCTCCAAGAACATCGTGAGAGGAGAGATTATTGCAGTACTGGAGAGATG
GAAGAAAAAGACTTCATGGATGTAATGATTTCTAGTGTTGAAGATGAGGATGGAGAGCAGCTCAACTACGAT
GCTGATACAATTATCAAAGCCACGTGCTTGAATGTGATATTAAGTGGAATTGACACTGCAACAATTACAATGT
CATGGGCTCTTTCTTTACTTCTCAACAATGAAAATGCATTAAAGAAGGCCCACTTGAGTTAAACGAACAAGTT
GGAAGAGCAAGACAAGTGAAAGAGACGGATTTGAAAAATCTACCATATCTCCAAGCTATTGTTAAGGAAACT
CTACGATTACCCACCTGGACCACTCTTAGTCCCTCATGATTCAATAGAAGATTGTACAATTGGTAGCCACCA
CATTCAAAAGGGACCCGCCTCATTGTCAATGCTCAAAAGCTCAAAAAGACCCAC

>trans_s_4256 NM_101858|Arabidopsis thaliana pathogenesis-related thaumatin family protein
(AT1G20030) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCATTCAATGTCTACACAAATTCGTTTCTATTATATCTTCTACCAATCC
TAACTTCACTCTCAGGTAATTAATCCCCATCTCTGTTTCATTACATTTTTTCACTTTCAATCAATGTTTTATGTTT
AATATTCTTAATTTCTTCTAACTATGGAATTACAGGAGTATTCTCCACCACTTTCAGCATAGTAAACCAATGTG

ATTACACAGTTTGGCCCGGAATTCTCTCCAACGCCGGAGTTTCACCACTTCCCACCACCGGCTTCGTCTCGCC
GCCGGTGAGTCCAAAACCATCTCCGCTCCCGCCTCTTGGGGTGGCCGATTCTGGGGCCGAACCCACTGTTTAC
AAGACTCCACCGGTAAATCCCTTGCCTCACTGGAGATTGCGGCTCCGACAAAATCGAATGTACCGGAAACGG
CGCGAAACCACCGGCAACTCTGGCGGAATCACTCTCGACGGCGCGGGCGGGCTTGATTTCTTCGACGTAAGT
TTGGTGGACGGTTACAATATCCCTATGTTGGTTGTCCACAAGGCGGCAGCGGCGAGAAATGCATGAGCACG
GGATGCGTTGTGGATTTAAACGACGCTTGTCTCAGGAGCTGAAGGTTATGAGCGTCGACGGCGGTGATAAC
GTGGCGTGTAAGCGCTTGTGAAGCATTTAACCAACCGCAGTAT

>trans_s_4257 NM_126343|Arabidopsis thaliana mucin-related (AT2G02880) mRNA, complete cds

CTTCTTTCTCCAACAAACAACAATCAAATTCTTCAACTGTTTCGCAGAATCAAACAACCCCATTTTCGGTTCTTCCT
TTCTCCATGCCAGATCCTTTACCACCAGATCTTCTTCTTCTCCTCCTCCTCCGGAGTCGGCAAGTTTAGCAA
TGGCAACGATGAATGGAACGATACTTGGGAATCCGCTTGGCTTCTGAAGACCTTTCACCAAAGAACAAAGC
GCCATGGGAGAGTGATGTGAACTTCCCGTCTGGAAACACTGCGGTTGTGTTTCCGTCCGAAGTTGATGCAGA
CACCAAAGCGTTTGTGAAGATATGAATGAGAATTGGGATGAAAGACGAAAGGCTTCTCAAAGCAGAAACA
AGGAGTGAATCAGGAAGAGGAGGGAGGTGATGGCGGCGGCGGCGGCGGTGGGTCGCTTTATAGCTTGGAG
AACATAAGAAAGATTACAGATTGCAGAAACAGAGGGTTCATGCTAATTTGTGGATGAAGGAGATTGAGAAAG
CAAGAGGAGGCTAGGTTGGGGGATTCCGTTGCCGGCAGTGGGGATGACATTGAAAGATTGATGGATAGCTG
CTCTGAGATTTTTGAATCGGTCAATGATGATTTAAACCATTCAAAAGTTCCAAGTTCTAAGGAGTTCAGAAATA
AACCTGATGGATGGGAAACATTATCAAAGGTCATGATGGAAATGTATGGGAGATGAC

>trans_s_4258 BT012600|Arabidopsis thaliana At1g55340 gene, complete cds

AAGCCAAATTGAGACTTTGAATCATAGTTTCCAAAAGAGCAGATCAGAGACTGAGGATGAGATTCACATTATC
TCTCTTCTATTCTTCTTTTCGTTCAAATTTACCATTCCCAAAAAAGAATCAAAGGGTTAGTTGAGTTTTCAA
ATTTTCAGACATCCTCATTCTGAATCAGTCTCCATACTTCCCATGGCTTTCAGCCCTGTTGGCCTCTTCTTCGTTG
TCTTCTTTTCTCTAATTCATATCTTCTTGGCTCATTCCGTCAGCCATGCTCCAGGGCTCACAGCTGACACAA
ACATCCAATAAAAGTAAGCTTCTCTGAATCATCTTGGCTCTCTTTTTAGGTCTTTGTGGAAGCTTGCAGCCTTTC
ATGGCCATGAAGTCTTCTTCTTTTCTTGGCTTGACAGAGCAATCAACAGCTTTGGTAAAACAAAGCTGCCTCCT
CTTTCCTCATGGCCGTTCTCGTCCACTACCGCCGCCGTGGATCCTCTGGTGGAGTAGTAACGGTCTTCCTTCTCC
GGCGACGGCGCTGTGCCTTTCATTATTTCTGGAGAAACAACCTTACAGTATCTAATTTGACCATTAACATCTA
GCCGATGAGAAAATAAACCTGAGAATTATTGATGTTCTAGATAATTTCTACTATCAGTTTTGTTGAGGATGCAT
CAGTTCATTACATGTGATATCTTATGACAAACGCGCTTC

>trans_s_4259 XM_002886010|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 3-oxo-5-alpha-steroid 4-
dehydrogenase family protein, mRNA

GATGGCAACGATGCTGATGAATCCAACCCCCAAAAGAATAAAGCTGCACCAATCCACTGACACCAACCTAAAT
TTGATAAAGGAATCACAGCATCCAACGGGCTAATTTCAACATCAGGCATATGCCTTCTTCTTGAACAATAAAC
TGAGCTAATCCACTTGCGGCAAAGTGATACACTTCTAGAATACAATTGCTACAAAGTGATAGAGGAGCTGCTG
TATAGAAAAACAAGCCAGTTAAATATCCAAAGATGTGCATCCGAGCCGAGGGACTATAGTTGAAAACGTATAT
TGTTTCATAAAGACGTCTCAAACTTGAACCTCCATTAATAAAATCAGAAAAACCGCTTTCAGACCAGGAATC
CATGTTCCCTCCAAGATGAATGAGATTTTTGCCATGGAAACAACCTTGAACCTCCAGTCAACTGGCTGGTAATG
GCAGGAAAGTTAAATGGTTCTGAGATTTCCGGGGTTGATACATATGCATAAATCCAAGTTGTTCTTAACAACA
AGGTTGTCCAAATAACAGCCAACACATAAAAGTGGCAGAAGAATTTTTGAGGTACAGTGAATTTCTAATACCA
ACGGCTATGTGTTCTGTTGGCCGATATTGCCGTAGCTACAATGGCTGAAGATGCAAAATTACGAACGGAACCTGC
AACGGGATGAGATTCGCGGGAGAACAGCCGCTCAAGAACGAAGATTTGTGAAGT

>trans_s_4260 AY020576|Oryza sativa microsatellite MRG2901 containing (GT)X17, closest to marker S10620, genomic sequence

TGACAATCACTTCCTCAATCAAAGAAGTAATGGCAGGATATAAAGAGACCCATAAAAAATCTTCAGAAGACGT
GGCTGTGCGTATGAGAAGATAGGCTATCATGTTGCTTGATATGGAGCATTAAAGAAACATTGTTGAATTGGGAC
GATCAATCAATCTTTCATTTCTTCAATGATGATTTACTGGAGGTCTTAACAGATTGGAGTTCGGTTTGTCATG
GATGGAACTAATTTCAAACGCCCATCGAGTGTGTTCATAGATGGGGCTAAATTCAGAATGCCTGACACGTCG
AAGATGGAATTCAGGGCTTGCTCAACTTTAGAAAGAAGTCATTCTTCATTAATACTAACTTGTAAGCTAATTG
AATTGCATATGCTATCAATATATGACTCCCAAACCTTTGATTTGTAGATTTGACTTATTTGGCTTTGTGCTCGAA
GTTTGATGCGTGTGCTGGCTTTTAAAGATATTGTAATCAAACCTATTGTGGAGAAATAGCATAGAGTTGACATT
CTTCTGAGTATAAGAAAGGGTTGGCTTAGTGGTTAGTTGAGATGTGCATGGACATATGTGTGAAAAAATAGA
AAGGGAAATTTGTACATGAATTAGGAACGTATGACCTCTTTTGGGGGCTCTTGGTGAATTTGTGCCCTAAA
AAAAATAAAAGAATATTGGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4261 X67674|C.sativus mRNA for rubisco activase

TCAGGAAGTTCGAACGAAACAGCTCTTGAAAATGCCAACGAAGAAACAGTTGAGGCTCTTATCGATACAAAT
GAGGATGTCCTTCTCATGAAATCCCACTTGGAATTGCAATGAGGATGCTGTTCAAGTCAAAAACCTCTTACGA
AGTTGCTGTCGAAGATGCAACTGAGGATGTTGTTCAAGTCGGAAATTTCCGAAGAACCGGCTCTTATGGATGCA
AATGAGGATGTCGTTCAAGTCAAGAACTTCTATTGAAGCTGCCGCTGTAGATGCAATAAGGATGTTGTTGTAC
AGTCAGGAACCTCTTATGAATCAATGGGGGAAGAGGAACGCAACAAGTTAATATCAATGTTCTGAAGGCTG
TGCAGATTCATCTTCTAAAACTATGTCCCAACAGCCAGATTCGACGTCAAAGCTTCCAGCATTGACTCTTAG
GAATTTTCTACATGTACTGGTATATAAACTAGGGCGTTTTGATGGAGCAATTACTGTTGAGTTGCTTTGGTTCC
GGTAATGTAAATTGCTACTGTAATAAACTTCATTAAGCTTAGTATCATTAAACGATAATACAAAATTGCTA
GTCATTAACAATACCCCAACGTACTTCCAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4262 XM_002863756|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

CCGTCAAATACTCTGTGGGTAGTTCTCAGCCCAACAACCACTTTTATGTTGCTCTTGTTGTAAGTCTGAGACGACC
TAGGGTTTTGCTTTCTTGGGAGAAAGAAGAAGATGATCGAGGTGGTGTGCTGAATGATCGGTTGGGGAAGAAG
GTCAGAGTGAAATGCAACGAAGATGACACCATAGGTGACTTGAAGAAGCTTGTGGCTGCCAGACTGGGACT
AGAGCTGAGAAGATTCGGATTCAAAAATGGTACAATATTTACAAGGATCATATTACTCTCAAGGATTATGAAA
TCCACGACGGCATGGGCTCGAACTCTACTACAATTAGTTAATGCAGGCATGGAAAGCCATGCGATGTGCTCT
GCTACCACTCTCTGAGCTCAATGTTGTCGTGTGGCGTTGCCTGTGTAATTTGTGTAACATAAGACGCATATATT
GATGACTGTTTCAGAATAAACTCAATTGGGGATTTCATGTAATACATATACAATCAAACCTGCTTGTTCGGTG
ATATTATATTATGTTGTAACCTTCATTAACCTTATGCTGTAACCTGATTGTTTAGTTTATGTGTTTTCAATGAATTT
GAATTTAAGCAGTTGATTTCAAATTCAAAATTTTAAAACTATGTGGTACCTACATAAACTGTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAATAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4263 NM_001061365|Oryza sativa Japonica Group Os05g0186000 (Os05g0186000)
mRNA, complete cds

ACTCGACACTTATCCTTCTGATTCTCTCACAAGCGCTTGCTCGCTCTGCTTCATCTTCATCCATCCATGGGATCTC
TTCCTTTCGGACTTCTTCAGGCTCCATCTCAATCTCCATCTCTCAATCCTCATTACTTCTTTCTCCAAGTCTGAA
ACCCTAGGAACATCTCTTCGTGCTTCTTCTACGGCTTCTTGTGAATCTCTACACCTTCATCTCCTTCTTCAATTCC
TGCTGTATATTGTGGCAGAGGCGATAAGAAAACGGAAAGAGGAAAGCGGTTCAATCATTCGTATGGAAATGC

GAGGCCTCGGGACAAGACCAAGGGGAGAGGGACTCCGAGAGTACCAACTCCTCCTTCTCCACCTAGGAAGG
ATAAATTTGACGACGACGAGAAAATCAAGATCGAGATTGACGAGTCTCTTTTTGCTAGCTAGTCATGGAACAA
TCTAATTCTGTTTATTTGAATGTGTTTTCTTAATTCAGAAGGTACTTCCACTTCTTCTAATAGCATTATTTGTAT
GAATTCTTCAGTTGCTTATCAGCTTCTGAATGTGTTGTTGTTTTGAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAATGTCTTTAACCATTTTCGGAGCAGGAGTCTAAGCATCAATGCTTTATAGATAGTCTTTGCGTCAATACAGG
CGTTTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4264 BT006544|Arabidopsis thaliana At3g02900 gene, complete cds

GGGCTATCTTCAACTCAACACTCTCTTCTTCTTCTTCACTGCTCTTCTCCAATTCCTCTCCAGATCTCTTCTCTGA
ATCCTCTCCTTTACATGGCCGCTGCTTTGCTCCGTCGCTCTCCGTATCTGGGGGATTGATCAAGGCCTCGGA
TCTCTCTTCAAAGTCCGTTTCTTTGGGCAAACACCAAACTCGCCATCCGGAGGAAGTGTTCAAAAACCAACC
ACAAGTTATCAGTTCGCGCTGAGTACAATGATGGTGGTAGAAGTGGCGGTGGGGATTTTGTTGCTGGTTTTCT
TCTTGGGGGTGCTGTATTTGGAACCTTAGCTTATCTTTTTGCTCCCCAGATCAGGAGATCTATACTAAATGAAG
ACGAGCACGGTTTTAGGAGGGCTAAGCGTCCAATGTACTACGACGAAGGTCTTGAGAAAACGAGACAGACAT
TGAATGCAAAAATAAGCCAATTGAATTCAGCGATTGATAATGTATCATCACGTTTGAGAGGTGGAAACAATAC
TCCAGCTGTCCCAGTTGAAGAAGCTGAACCCGAGATTGAAGCTACCATGTAAAAATTCAATTTAAACATTGGT
CAACATAAGGTAGTTTTAAATTTTACCTTCTTATAGACCATATATTGAATTCATGTCACAATATGCCACAACCT
TTAGTTGCAACTTCTTTTTTGATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4265 EF589334|Oryza sativa (indica cultivar-group) cultivar Pokkali expressed protein
genomic sequence

AACTTCTTCTCACAAATTCCACTATCAGATCTTCTTCTTCTTCACTCAAAGCAATCAGAGCCTCGGAGAGGAAG
ATTTTGACACTAGGGGTATTAATATATATCTATACAATGAAGAAAGGCTTGACCCTCAATTGCAGTATGTAT
CGTATGTCACTCCGAGTGGCAGATTGATGGGTGCTATGATGACCAAATACACAATGTCAGTAAAGTCTACCA
CCTCAGAGCAAAGCGTCAAATGATTGAAAAGTGTGGGAGCTTGCCAAGTTCAAACGTCGTTACGAGATAGG
GAATGATGAAGATGCTGCAAATGCTGAAAATGTTGAAAATGCTGAAAAGAAGTGACCTTTAGGGCAGCTCAA
GGATCAGCTGTTTGCTTGGATGGCTCATTCTAAATTTGTTTCGAGGGCATGGCCTTGAGTGTAGGAATTTA
ATGTTCACTTCTTTCAATTAATCAACCCCTTTTCAAGTCTAGTCTTTTACAGGACAGCGAGTTATTTCTATTAT
GGTTTTGATGTGCTTTTACCATTAGAATGATCTAATCTGCATTCTATTTTCTTTTCAATTAATGTGATCACTTTC
CACCCTCTTCTTACTGGGAAGCCTAGATTTATGAGACATCTATTTATACTATAAGTTGTGTTAAATAAATA
ACTCAACTCCAATTGCGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4266 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate
carboxylase/oxygenase, complete cds

TTAAACCGGCGATTGCGAGGGGTATATGCTAGTTTCAACAACTCTCGTTCTTATCACTCGCAAGAACAACGA
CATCACCACCTTTGGCTAGCAATGGTGGAAGAGTTCAAGTGCATGAAGGTGTGGCCACCACCTTGGATTGAAGAA
GTTTCGAGACTCTTTCTTACCTTCTGATATGAGTAACGAGCAATTGGGAAAGGAAGTTGACTACCTTCTCAGGA
AGGGATGGATTCCCTGCATTGAATTCGACATTCACAGTGGATTGTTTACCGTGAGAACCACAGGTCACCAGG
ATACTACGATGGACGCTACTGGACCATGTGGAAGCTGCCATACCACAGTACAATCGTCATCTCAGGTGGTT
AACGAGATTGAGGAGGCCAAGAAGGAATACCCCGACGCATACATCAGGGTTATTGGCTTTGACAACGTCCGT
CAAGTGCAGTGCATCAGTTTCATCGCCTACAAGCCCCAAGATTCTACACATCTCCTTAAATTCATATGCTGC
GGCTTTCTTGAGGCGAATTTCAACCATTTGCCTTTTTTAAAGCTTCATCACTTGGGTGGTTTCAACCAATTTCC
CTCCTTTAATTTTTTTTCTTACTCTTTTTTCTTATTTTTCCATTTACGGGGGTGGGTGAGTGTGAATCCCACT
ATGTTTATTTCCCCGACGACTGGGAACGGCTCCTTTGGGGGCCTTCCC

>trans_s_4267 FJ972819|Cleistogenes songorica glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase (GAPDH) mRNA, complete cds

ACTCATTCTATTCACTCACCTAACTTTCTCCCCATCTCTTTCTCTTCATCCCTTTGTTCTCCTTTTCTTCTCACA
ATCATGGGCAAAGTTAAGATCGGGATCAATGGATTGGAAGGATCGGTGCGCTTGTGCTAGAGTCGCTTGCTG
AGAGCGAGGATATCGAACTCGTTGCTGTTAATGATCCCTCTATCACCACCGATTACATGACCTACATGTTCAAG
TATGATAGTGTACACGGTCAGTGGAAACACCACGATATCAAGGTGAAAGATAGCAAGACTCTTCTCTTTGGGG
AGAAATCAGTCACCGTTTTTCGGTACTAGGAATCCGGAGGAGATCCCATGGGGGGAGGTTGGAGCTGACTATG
TTGTTGAATCCACTGGAGTATTCACTGACAAGGACAAAGCTGCTGCTCATTTGAAGGGTGGTGCAAAGAAGG
TTATCATCTCTGCACCAAGCAAGGATGCCCCGATGTTTGTGTTGGTGTAAATGAGAAGGAGTACAAGTCAGA
TCTCAACATTGCTTTGAACGACAACCTTCGTGAAGATCGTCTCTTGGTACGACAACGAGTGGGGATACAGTTCA
CGTGTGATCGACCTGATCCGTACATTAACCTGTTCAGTAAACGTTGTCTAAGAGTTGTTCTAAAGGGAGG
GGGAAGGCTTTGGATTTGTGGAGTTGCTCAATTATTAGGTCCTGTCATTA

>trans_s_4268 X62461|A.thaliana REV3C mRNA for histone H1fk (partial)

AAAAAATCAAAATTAGCTGTTTTCTACTCAGACCCCCACATCTCCTCGCTGCAGTTTCTTCTCCAATCCTT
CTTCCTTTTCACTCCAACAGTCGCCGTCGCCGAGATTTCTCTCCGACATGAAGCTCCCCGATCTCGGCGGAAA
TGGTGGAGGAATCGTGAACCAGGCACGGATGATCGCCGTGTCGTTGGTCGGCGTTGTGGCCGCTGCCGGAA
CACATTATCACTGGGGCTGGAAGTCAAGGTCTTCTTCGCCAGGCTTCATTGAGGATCAAAAAATCGTGCCGGT
CATCGGACGGACAGAATCCGGCCGTGCCGCCTCCTTTGAGGCGTTCCCCGACTATGTTGCAAGGCAATTGGGA
TTTAAAGATGTGGGGGAGTGTCCAAAGTTGGGGAAGCCGATAAATGATTATTTGAAGAAGAAGAAAGGTTGT
GAAGAATGGATATATGAATATTTGGTTGATGAAAAGGAGAATGCAGCTGATTCATTATATGTGAAGCTCATT
AAGAGTTGGAGACTTGTATTTTGACCTATTTTGCTTTTCATTGGGATAAAGCTCCTCAAATGGTTTCTCAGGTA
CACACTCCCCACACTACAACCTTTTTATTTACCCATAATTTGTAAACACACTAAATTATTTATTAATAAAATTT
CTCTATCTAATTAATACTACAAAAA

>trans_s_4269 AY220483|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 276 (ACRE276) mRNA, complete cds

AATTTTGGAACAGACTCCACTTTTGCCAATAAATATTTTCTATCACAGCAAGGATACAATACAAGTGTTTAAAA
TGAAGGGTAGATTACATGATTAATAGCAACCATTGTTTCATAAAATATGGACATGGTTGTGCCATTAAACCTTC
CATCTTTCAATTAAAGAATTGGTTAACCTTTGAACAAAATTGGGGAACCTCATATTTAGCGTGAGGACGAAGAG
AATGGCAAACGGTGTGATTATACAACAGGTACCGAGATAGATATCGGCACAGATACCTCGCTAGCAAAGCTT
GTTTCTCTGCTTGAAGCTGAGTTACTTGCATAGGCATAACCAACCCCCAATCCGCCGTAATGCATTGTGACATG
CTCACATCTTTGGAACACTCTAGCTAGTGAAGCAGCCTTTCTTCGCGCTCGCTTCGTACCGGTGAATAGGAGTG
TTTGAGCAAGCCAGCCAAAGCGGGAGCCTTGAACACTTGTTGCGTTGTGGCAGCACCACCACTTCGGCATAA
CTCAAGCAAAGCTGCTACTGCATTCTCTTTACCTCTTGGTGTACCACATCGCATCATTGCTATCAATCCTGCTAC
AGCTCTCTCTCTTTGGCGACTGCTTCGGCCCCAACAGGCTGTCTAACGATCAAAGCCAATGCACCAGCTGCTT
CCTCAGCAACACCTTCATTCCCCAATGCTCCTACAAGAGCTGTTACTG

>trans_s_4270 NM_001063909|Oryza sativa Japonica Group Os06g0274200 (Os06g0274200) mRNA, complete cds

AAGCGTAGCGGTCTCCGTCGTCGTCGTCAAAATCTCATTTTTCTCCGGCAGTTCATCTTCAAATCCTCTTACGG
AGGCAATGGGAAGTGATAGCGAGGCAGAGAAGTCGCGTCAAAAGGACAAAGAAAAGGAGAAGAAGAAGCT
GTTGGCTCTTGCTCCAATTGCCAAACCCCTTGCCGGCAAAAAGCTCTGCAAGCGTACCTCAAGCTCGTTCGCA

AAGCTGCTGAGTATAAGTGCCTGAAGCGGGGTGTGAAGGAGGTTGTCAAAGCATAAGGCGCGGTCAAAAA
GGATTGTGTGTAATAGCTGGAAACATTTCCCCATTGACGTGATCACTCATGTTCCAATCTTATGTGAAGAATC
AGATATTCGTTACGTATATGTTCCCTCCAAGGAAGATCTTGCCAATGCAGGGTCAACGAAGAGGCCAACATGT
TGTGTGCTGGTACAAACAAAGCCAAACAAAGGGGAGCTTGGATCAACTGAACAAGAGAACTCAAAGCTGAC
TTTGACCAAGTTGTAGCTGAAGTATCAGAACTTACTAGCACTCTTTTTTGAAAAGTAAAGTTGTTTTCTTTAACT
TCTCTCAATGTACTTGTAGCATTTCTCTTCAAAGTGGCTAGTGTACTCTGTTTTACCCTCAAATTTGTTTGGTCTT
ATGCCATTTCTACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4271 NM_101362|Arabidopsis thaliana major latex protein-related / MLP-related
(AT1G14930) mRNA, complete cds

TGGGTGAGTTTTATATATCTTTAAACGAAATCATGTCTTGTGTTCAAAAAATTATGGAGCCAGTAGAAATGAAT
ATAGATTCCGAGAAATACTATTATTTTCATCAAAAAATAATGTTTATCATATTCCTAATATTACTTCAACCATTCAA
GACGTAGCAGTTCACGAAGGTGATTGGGACAATAGCAGTCATGACTGCATAAAAGTATGGAATTACACCATC
GATGGGAAAGCTGAGGTTTTGAAAGAACAACCGGAATTCGACGACGAAACGCTTAAATAAGTTTCATTGCG
GTGAAAGGAGATTTGTTAAAGAAATATAAAAGTTCAAGATCATTCTGAGATCGTACCGAAGGGCCCCCAA
CAATGTGTGGTTTACATAACTATAGAATATGAAAAGTATGATCCTACCACGCCTGATCCATACAATTACCTTCA
ATTAATTGCTAAATTTATTAAGGATGCGGAAGCCTATCTCATTCAATAATTAGGACAAATAAAATGGTTTAATCA
AGTTTATGGTTTTTTTTTATTAAAATGAAGTCACTCTCCATCCTTACGTAAAATAGATATAGATGGAGGCTCCAT
CCTTATGTTTGCCTTCTTCTTTTCTATTTTCTGTACGTGACCATTTTGGTCTTTCATTATAATAAAACATATA
TGGAATATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4272 NM_180307|Arabidopsis thaliana zinc finger (DHHC type) family protein
(AT3G26935) mRNA, complete cds

AGGATTATGTCAGCAGAGGAAACATCCATATGGAGAGCGATGATCAAGACTCCTGCCTCCATTGTGCTAATTG
TTTACACTTTTCATCTCCATGTGGTTCGTTGGTGGCCTTACTGCCTTCCATTTATATCTCATCAGTACAAATCAGAC
TACCTACGAGAAATTTAGATATCGTTATGATCGAAGGGCCAACCCATACAACAAAGGAGTAATGGACAACCTC
AAGGAAATCTTTGCTCCAGCATTCTGCATCCAAGAACAACCTCAGAGCGACCGTGCCTAAAGAGCCTGTTCT
ACCTCCTACTCGACTCGGAACGGGTGGTTTTATGAGTCAAATGTAGGCAAAGGAGTAGAGGACATTGAAAT
GGGAAGGAAAAACAGTATGGGGAGACATCAATTCTGGAGCAGATCCTTTTGATGGACAACAACCTCAGATCAG
TGAGCGGTTGAACATAAAAGAAGGTGAACCTGGTGAAGTATCTCCAGATATTAGAGCTGCCGTTGAAGAAGG
TAACGAACGTGGTGGATTACATCCGAGGCTATCCAGCTGGGGAAGAAAAAGTGAAGCTGGGACATGTCAC
CTGAAGTTGTTGCTTTGGCAGCAAGGGGTGGCGAAAATCGTGTTGGAGGGAGCAGCAGCAGCGGCAACTTG
ACGGTTGACAACCGAGAAACACGTGATCATTGATAAACTTGGAACAGATTTAGATG

>trans_s_4273 HM122528|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL12) mRNA,
complete cds

TCTCTCAAAAACCTCTCAAAATTCTCATAATTCACATTCCATTCTAGATTTTTATTTTTAGTTTTATTTTTCATGAAG
ATCCGTTGCGATGTTTGTGATCAAACCGAGGCCTCTGTTTTTGTATGCTGATGAAGCTGCTCTTTGCCATGCC
TGTGATCTCCATGTTTCATCGTGCTAATGAGCTCGCTGGTAAACACTCCAGATTCTCTTACTTCAACCCATCAAA
AAGGATTCTCCTCCTTGCGATATCTGTCAGGAACGGAGAGCGCTTGATTCTGTCAACAAGATAGGGCAATTC
TTTGAGAGAATGCGACATTTGATTACGAAACCAACGAACATACACAAAAGCACAATCGCTTTCTTCTAACA
GCAAAAGACCTAAAATGGCGGCAAAAGATCAACAAATATCAACTTCACATTCCGCTGAAAAAGCTACTCCTCC
ATCCACAAGCAATCATCTGGTCGATCAAGACGGTCAAGCATTAAAGCGACGGCGGTTCTGTTCTCGACGAGCAG
CATATCAGAGTACTTGGAGACATTACCGGGATGGTGTGTGGAAGAGTTTCTAGATCCTTCCGCCGCCGCTGCT

GCCGCCGCTGCCGCCAATCGTTTCTATTAATAATGGAGAAATTTTGGGATTTGGGAATGGGAATCTGGAAGG
GGAAGAGGAATCAGTAAGAGTAAGGTAGGTGAAGAAGATGGGTTGGG

>trans_s_4274 X70868|Cucurbita sp. pMCPN60-2 mRNA for chaperonin 60

CTGGCGGCGTGGCTGTATTGAAGATTGGAGGAGCAAGTGAAGCAGAAGTGGGTGAAAAGAAGGATAGAGT
CACCGACGCCTTGAATGCCACAAAAGCAGCGGTTGAAGAAGGAATAGTACCAGGGGGTGGTGTGCACTTTT
ATATGCATCCAAAGAACTGGACAAACTTCCAAGTCCAACTTCGATCAGAAGATTGGAGTCCAGATTATTCAG
AATGCTCTGAAGACACCCGTACACACAATTGCATCAAACGCTGGAGTTGAGGGAGCCGTTGTGGTCGGAAAG
CTCTGGAGCAGGATAACCCCGATCTTGGTTATGATGCAGCAAAAAGGTGAATATGTAGACATGGTCAAAGCT
GGCATCATCGATCCTCTGAAAGTAATTAGAACTGCACTTGTTGACGCCGCTAGTGTTTCTCTTTGATGACAAC
AACGGAAGCCATTGTAGTCGAACTGCCCCAGGACGAAAAGGAAGTTCCAGCAATGGGTGGCGGCATGGGGG
GAATGGACTACTAAACAAAGCAGCCATCAACCATTTTTTAAATTCAAGACTAAACCGAGCAGCGATCAAAAGT
TGGATGAATTCAAATCAATTTTAGCTCTGCTTGCTTCCGAGATCTTGACATTTTACGGACCTTGAAGATGTCTTC
TTTTGTTTCATAAGTCTTGATTTATTTTTGTCAAGGAAAGCTTCCATTCATGTGGAAG

>trans_s_4275 DQ885471|Gossypium hirsutum 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
(ACS1) gene, promoter region and complete cds

CATATTATACAACCTGGATGGACTCGATGCATCTATGATTAAATAAATTACATGAAGTTGTGGCATTITGGAGG
ATGTGATGAAAGAATTTGTGTAATTTTAATTTTTAGGGATAATATCTCAAAGAAGTTTTAGAGGGATAATGATA
TTTTCTTCTGCTTTGTGTTGTTGGCTTTGATGGGGCGTTCTTATTTTCCAGCTTCCTTTCTTTGTTTGGGAAAC
TAGAAAATGGAGGCACAGGTACTTTGCCTGAGGTTCTCATCACTTCCACAATTGATCTCCACTACCCCAATCTT
ATCAAAGCTTTGGACATCTCGTTCCTCCAAGCACTATTCATCTGGTCTTGGTTAGCCCTCTTTCAGCTTCCTCAA
TCACTCTTTTTACCTGCAAATTTTCATCCTAACTTTTCATTTTGGTGACCGTTTGATGCCTAGTTTTACGGAGGA
GCTTCAGTAAAGAAGAGCCGCTTATTGATGGGCTCCCTAAAGAGTATTACGATGATGTATGTGTTTACCTAATT
TGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTTGATTACAGCTTCTGCTTCTCCGCTATAGCTTCTTGTTTACAATTTGTGTG
TGTTATCTGGTATTTTCTATTTTCTGGTACTGGGGCAGGGCAAAAGCATGAAGACTTACAGAGATGAAAATGA
TGAATTTTCTTCTGACGCATACTTGTTGTCAATACCC

>trans_s_4276 DQ251455|Cucurbita pepo patellin 1 (PATL1) mRNA, complete cds

GAACAAGGACTTGTATCAGACCACCTTCTCTGACGACGAAAAGAGCCTCAAATTCTTGCATGGAGGATTCAG
TTTTTGGAGAAGAGCATCAGAAAGCTCGACTTCAGCCCCAGTGGCATCTCCACCATTTGTTCAAGTCAACGACCT
CAAAAAGCTCGCTGGACTCACAAAGTGGGAGCTCAGAAACGCCACCAAGCGAGCTCTGCAACTATTCCAAGA
CAATTATCCTGAATTCGCTGCCAAACAGGTGTTTCATCAACGTGCCATGGTGGTACTTAGCTGTGAACAGGATG
ATCAGCCCCTTCTTCACTCAGAGAACGAAAAGCAAGTTTGTGTTTCGCTGGACCATCCAAGACTGCTGAGACCC
TATTCAAGTACGTTGCTCCTGAACAAGTACCAGTTCAATATGGTGGATTAAGCAGGGAAGGCGAGCAAGAAT
TTTCCGTTGAAGACCCTGTTACTGAAGTTGCCATTAAGGCAGCAACCAAAACACACTGTTGAATTTCCCAATTTCT
GAGCCAAGCCTTCTGGTTTGGGAATTGAGAGTTGTAGGATGGGATGTCAGCTATGGGGCAGAGTTCTCGCCC
AGTGCTGAAGGTGGCTATACTGTGATTGTACAAAAGACAACGAAGCTTGGGCCAGCTGATGAACCTGTGATT
TCCAACAGCTACAGGGTTGGCGAAGCTGGTAAAAAACCAAGACAACGAAACAAA

>trans_s_4277 NM_124967|Arabidopsis thaliana NOI (NOI) mRNA, complete cds

CTCTCTTTCAATCTGCCAGTCTTACCCATTTTTCTCTCTTTTCATTGATTTGAAATTTCAATTTTTTCTCCGAAA
CGTTCTCTCTCTAGAATTCATGACGGACAAAGGTGGCCATTGCCAAAATTTGGTGAGTGGGATGTTAATGAT
CCGACATCAGCTGAGGGTTTACCGTGATTTTAAACAAAGCTAGAGATGAGAAGAAAACAGGCGGCAACCT

GATTCACCTGGAAAAGTTGATGCACATGGCAGGACTGCACCAGATCCTGCCAAGGCACCTCCTAAGAAATGG
CTTTGCTGTATCCAAAGTCCCACTGCTGAATCTTAAGAAGGTTCTGTTAGAAGCCACAGTTGAAAACTTCATA
TTATTCTGTAATTGTGTCTGCTGTTGGCTTCTCAAATTCAGTGCACCTTTCATGGAGCCTTGATGGTCCTGCTAA
ATTTTATGCAATTCATGTAAATCTGAGTGTGCTTGTGTTGTGTTGTGGAGGAAAAAAAAAAAAAGTAAAGAAG
AACATGTATTGTATTTATATTATTGATATGGTGGTTTTTTTATTAGGGGATAAAGTTGCTATTCTGTCTTTGCCTT
TGGTGTGTGAGCTGTAAAGCTTTGCACTGGACATCGTGTATAATTGTGGCTGGTATAATTAATGTAATACAAC
TTTTGCTTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4278 XM_002323996|Populus trichocarpa thioredoxin h (PtrTrxh2), mRNA

GCTACAGAGGGGGAGAGAGAAAGGGAGAAAAATGGGAGTTCTTCTGTCGAGGATCGGAGCTCTTCTTTCTA
ATTGGTTCGGCCCCCCCCACGGCCGCCGCCGAAGCTGCCTCATCGGAGCCGTCCTCGGTTCACTCTTTTCACTCC
TCAGCCAGATGGCAGCTCCACTTCAATTCGTTTCAGGAACTTCCAAGCTCATGGTGATTGATTTCTCCGCAAC
TTGGTGTGGACCCTGTAGGCTCATGGAGCCAGCCTTCAACGCCATGGCTAGCAAATACACCGATGTTGAGTTT
GCTAAAATCGATGTCGACGAGTTAGCTGATGTGGCTCAGCATTTTGGAGTACAAGCAATGCCAACATTTGTGT
TCCTGAAGAGAGGGGAAAGTGGTGGATACAGTGGTTGGAGCCCGTAAGGAAGAGCTGGAGAAGAAGATTGA
GAAGCACCGATCGGTATCTGGTTCACTTAGATCCAAAAACCCCAATAATAAGTTCTCTCACTCTCATTCTTAC
TCTTCTTCATCTTTTATGTAAACATTTGAAAATTATCTATATCTAACTTGGTCACGATTTGAATTTAAATATGT
TATATAAACTCCAACCTTGTTCTTGTTGAAATCAATCTAACTGTCTTCTCCCTTCTGTAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAATTGGTGAAATGATTTTTTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4279 Z97336|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 1

CAGAACGCTAGGAAATCAGATATTTCTGTTTCCAGAAGCGCACTAATGGCCAGAATCACCACAAAGATTTCTTT
CGACAGAAACATGGATTCTCAGAGCCAGAATCAGGTGAAGTACGAACTCAAGTGATGAGGAGAAAGCTCCA
GAATGATGGTGGCATAGATTGGAAATGGATAGTCATTGGTGGGACAGCGGCTGTAGTGTGTGGACTTCGAAC
AGGTGCGATTGGGAAAGCCTTGTTACTTGGAGCAGGACAGAGAATGGCTCGAAGGTGAGAGATATCTAAATT
AGGCGCTGGCACTGGATTACTATGCATTTTGAAGCTCAACAAGTTTCTTATAATAGGCCGACACATCAACCATT
ATTGAGATTAACAACATAAGACCAATTTTTCGGAATGGCTATGATAGAGTGATCCTCTTCCATGGATAACTTCC
ATATTTCTGACCTTCCAGCTTCTACATCTCTTTTGCTTAAATGATTTAGTATATGATTTACATTGGAATTCAGT
TGAGACTTCAATCAACAACAGCTAATCAGATCTTGCATGTGTTAACTTCAAATAAGTCAGGCTTCTCTTTCTT
GAAGCATGATTTAGGATTGTGGATATGTAAATTAATGAGAGGATTTGGTTTATGTATTAATATACCTAATAAA
GATTGTGGGACACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4280 X61030|O.berteriana mitochondrion rps19 and rps3 (exon 1) genes for ribosomal
protein S19 and ribosomal protein S3

AGATTCCACAATTCTTTCATCTTCTTCTTCAACTCTCACGTCTCTGCCTTTCACAAATCTCTAATCTTCATTCTTCA
CAGTATCATCTTCTCTTCGTTTCATGTCGCCACGATCTATATGGAAGGGCGGTTTTGTTGATGCATTCCTGATGA
AAATGAAGAAGAATGTAGAACCTCTTATGAACAGGAAAATTTGGTCACGTGGATCTATGATTCTGCCGGAATT
CGTTGGTAGCACCGTACGAGTTTACAATGGGAAAAATTTGTTTCGTTGTAAGATCACTGAAGGAAGAGTTGGT
CATAAGTTTGGAGAGTTTGCTATGACACGGAAACGAAGAATTGCGAGATCAAATAGTGCACCGGCAAAAAAGA
GGGGGGAAAAAGTGAAGTTCAAGCGCATATGCAATTTGGTATTCACTTTTTCTTCTTATTCTCAATTCAAGGT
TAGTAAATCAGTCTGGTGTGTCAATGTAGTTTGTGTTTTCCTATTTTGCGCCACAGACCGTCACTGTTTTCTG
TTGATATCGCCAAAGCTGTTATTGGTTTCTGTATGATTTTATATACAATGATTTCAAATTCTATATGAGTTC
TGTTCTACCATGCTTTGACAGAACTATCTCGAGATATTGGGGTAATAACAATTTTTTTGATCTTGAAATTCTGAA
AATATAAAGACGTCCATGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4281 AY140088|Arabidopsis thaliana seed maturation-like protein (At5g14970) mRNA, complete cds

CGCCGTTGAAGGGATCTTTGAAGCTTTTCTTCTCCTTCTTTCCCTATGGCGGCCTCTGCTCGTGCCTTCTTCCTT
TCTCGTGTCACTGACTTTTCAATTAAGCCCCGTCTACCTCCCCAACCGCCGCCCTTGCCTTCTTCTCCTATTAC
ATCTCACCTTCAACGGCGCCGTTTTCCCTCTACGTCTGGTGCAACCACTGTTAGCTGCCTTGCTCCGGTGTTG
ATGGTGGTGGAGTTTCCGATGACTTTGTTTCCACCCGGAAGTTGAAATTCGATCACGGATTCTCCGTAATCGCT
AATATGCTTAAGCGGATTGAGCCGCTTCATACATCCGATATTTCCAAGGGTGTTTCTGATGTTGCTAAGGATTC
TATGAAGCAAATATTTCTTCAATGTTGGGTTTGCTTCTTCTGATCAGTTCTCGGACACCGTTAGGGTTTCCAA
AAGCCCTCTCCATAATCTCCTCTTTCATCAATCATCACCGGGTACACTTTGTGGAACGCGGAGTATCGGTTGT
CTTTGATGAGGAATTCGATATCTCGCCCGATAATTTGATGGGCTTGACAGGTCGAAGCCACTGGAAGTTTC
GGATATTGAGGAGAATCTGGTAGGCGTTGATTCCAATATGGAGGATTTGGATACGAGGCCTCGTCTCTTGTC
GATTTGCCACCCGAGGCCTGAAGTACATCGAACAGTTG

>trans_s_4282 GU984022|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY23) mRNA, complete cds

AGATGGAGGAAATACGGACAAAAAGTCGTCAAAGGAAATCCAAATCCCAGGAGCTACTACAAATGCACATCT
TTAGGCTGCCCGGTGAGGAAACACATCGAGAGAGCAGCCAACGACATGAGGGCTGTGATCACTACCTACGAA
GGCAAACACAACCACGAAGTTCCAGCAGCACGTGGCAGCGGTGGCGGTGGCTATAACACCATCAACCGACCT
ATACCAACCAACATTCCAATGGCATTGAGGCCATTATCCGTTGTCACCAGTGATTCTTCCCGGCAAATTTCCA
GCTGCATTCCGGCCAGGAAATTTAGGAATGTCAGAAATAGGAACACAAGCATCATCATTCCCATTTCAAACAT
CACAAGGAGGGCCTCCAAGTTTCCAAGTGTGAGGATTTGGATCGGCAGCCAAGGAAGAAGTAAGAGACGAC
ACGTACTTCATCAACTCATTTCTATCTTAGATTTCTCTCCTTTTTCTTTTCTTCTTCTCGTAGCTTCGTA
AATAGT
TGCGGGGAAAGCACGGGATGGGTAGAGTAGAATAGAATAGAATTTAACTTACAAGAAATGAATTTGTTGAT
TGGTTATATTATTATAGATATAGATGAATTTAGGAGATATGATGCAGTTTGTTTGTGATGAATGAATGAATG
AATTAATAGTGGTTTAAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4283 AY106899|Zea mays PCO110557 mRNA sequence

AAATCTTGTTATGTTGAAGCATGCTGTTATTTAGTTGGAGAGCGAGTGTTATTTGTTTGCTACCTTAGAAGAT
TGGATTTGGCGCCCTCTGTAGTATCGATTCTGTTCTGCATTTTTTATTTTCTATATTGAGATGTCATGAGAGGTA
GAAGAATAGATTGTATTGATTGTGAATTTTCATTCGGTCATCTGGTCTTGTACGATTGCCATTATTTAATGAC
CTCTATTTCCCCAGAGATTGTATTGTTAGATCTCTATGTATAATAGAACTTTATTTCTCAAAGGACATACTTTT
CCTTCTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAATTAATAAAAACCCCCAACCCCAGGGGGGGGGCCGGGA
CCCAAATCCCCCAAAAGGGAGCCAAAAAACCCCCCCCCGGGGCCGCCTTTTAAAAACCCCGGAAAGGGAA
AAACCCGGGGTTTCCCAAATTAACCCCTTGAAAAAAATCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAACGAAAAA
GGCCCCCCCCAATCCCCTTCCCAAAATTGGCCACCTGAAAGGGAAAAAGGG

>trans_s_4284 BT004574|Arabidopsis thaliana At3g03070 gene, complete cds

ACTTTAAGCTCCCCGGGCCGTAGCTCTTCGCGCTCTCTTTCTCTCTCAGCTCAGGTTGTGCGTTTGATCGGTG
GATCAATGGCGTCAAGTCTGTTCAAATTGCTTCTTGAATCTTCTTAATATCCCATCTTCTACTAGAAATCTGA
GTCTTGTTGCCAATCAAATCGGCCAGCACACCGCCAAATGGATGCAGGATACAAGTAAGAAATCACCCATGGA
GTTGATCAATGAGGTTCCACCAATCAAGGTTGAAGGCCGCATCGTTGCTTGTGAAGGAGACAGCAATCCTGCC
CTTGACATCCAATTGAGTTCATATGCCTCGATCGGGAAGAGCCCGCTGTGTGCAAGTACTGTGGCCTGCGCT

ATACTCAGGACCATCACCACTAGAAAATGTGCAAATGATTATTCCAGCAAGCAACCCGGAACCTAAAGTCTATT
GTACCTTTCTAAACTCGACTTCTGTAATGGTTTATACTATTGGCTGCATAAATTAGGAATTTAAGAATTCCATTC
ACTAAGCACTTTGGACGGGTCCATTGTCTTTTGCCAAATTTGTTCTATTGCTCTGTCTAGTGAACATATCTTGTT
GATTCTAATACACAATAAAAAGGTTTTTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTTATGGATCG
CGCTTTTAAAGGTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4285 NM_001069564|Oryza sativa Japonica Group Os09g0373000 (Os09g0373000)
mRNA, complete cds

AAGAAGAAAAATAAGAAAAAGAAAAATAGCCTGCTATCGTTCTTCATCTTCTACTTTTGGGTGGTTTCAAAGTC
AAAATTCTCTAGCGTTCTCCATTATCTCTTGCCAGATCTCCATCGAATTGCTGACTGCCCTCCGACGCTCGTC
TTCTCCAGAAATCAGAGAATGGCTTCATTCCGAGCATTCTTGAACAGCCCTGTTGGGCCAAAACTACTCATTT
TTGGGGACCTGTTGCCAACTGGGGATTTCGTGGCTGCCGGGTAGCAGACATGAACAAGCCACCAGAAATGAT
TTCTGGCAACATGACAGCAGCAATGTGCGTCTATTGAGGACTGTTTCATGAGATTTGCATGGATGGTACAACCC
CGCAATTACCTACTTCTTGCTTGTCATGCCTCAAACGAGACTGTACAGTTGTATCAATTCTCACGTTGGGCAAA
GGCTCAAGGGTACTTGTCTAGAGAAGAAAGACGAAGCTGCATCTCAGTAGCTTGATGCTATATCCCACATCCT
GTTGTCTCTATAACATTATTTTCTACGGGTGTAATTTGACTCATTGATAATCATTGTGTATGTTATTTGAAAT
ATGTCGAGGAACTACTTCAGTAACACCAGAATGGAATTGGGAATTTTCTCCCGAGAAGCAATAAAAAATTAT
TTCAGATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4286 BT024617|Arabidopsis thaliana At4g30630 mRNA, complete cds

ATAAACCAAAAGGAAAGAATCGATATGCCTATGCAGAATTCTATTCCAATTCCTGTTCTTGACTTAAACCAGAA
GGCAAAGACTTCTTCTAGGAAGAAAGCCAATCAACATAACTTGATCCCGGTTTTTCGACTTGAACCAGAAGGAA
AGAATGTGCAGTGGGAGAGATGCTAGCGAGAGAAACATCACTCCATTTTTTGACTTGAACCAAATTTTCGATAG
AGGAAGAGGAATTGCAGACCCATTACGAGCCGCTGAGAGTTGATGAGCTGAAGAAAAGCCTTCTTCGAGGA
GGGAACGATGAGCAGCAAAACGATATCAAGATTTCCGCATGCAGGAGTATTGGAGATGGTCCAAGTCGAGC
TGGTAAAAGAAAAATTTTCATGGCAAGATCAGGTAGCTTTAAGGGTTTGAGCTCATTGTAATCTCTAGTGTCAC
TTCGAACTCTACTATTTGGGTGATGGGGTTGAGGCATTTCTTTGCCTGAAAGTTACCAAGTTGATTGTAATT
CCTTCTCTGATTCTGTATTTTCTATGTAAAGGGAAAGTAAAGTAGTATTTGTACATGTCAATACATTTAAAAAG
AATGATGAGGAGATATGGAAAAGGATCAAAATGGAAATCCTTCAGTCTATTGGCTACTTTTGGCTTGTAAGTC
ATCAGAATCTTCACTCCTTCATAACCTTTTCTACTCTAGATGGTACATC

>trans_s_4287 NM_100895|Arabidopsis thaliana ATMPK1 (MITOGEN-ACTIVATED PROTEIN KINASE
1); MAP kinase/ kinase (ATMPK1) mRNA, complete cds

AATCAACTCAAATTGATAATTAACCTACTGGGTAGCCAGAGAGAGGAAGATCTTGAGTTCATAGACAATCCAA
AGGCAAGAAGGTATATAAAATCCCTTCATACTCTCCTGGAGCTCCTCTTTCCCGTCTTTATCCGAACGCTCATC
CTCTTGCAATCGATCTGTTACAAAAGATGCTCGTCTTTGACCCATCAAAGAGGATTAGTGTAACCGAGGCATTA
CAGCATCCTTATATGTCCCACTGTATGATCCAAACAGCAATCCTCCAGCTCAGGTGCCAATTGATCTTGAGAT
AGATGAGGAACTTGGAGAAGAAATGATACGAGAGATGATGTGGAAAGAAATGCTTCATTACCATCCCGAAGA
CCTGGAAGAACTCAGAAATGACACGTTTCCATCCCGAACCTACTACAAGTAGCACTGCAGTGTATTCTTAAC
AGAATCTTGTTGGCAATCCAGCTTAGAAGCTTTGGGTGTGATGATGGTGACAAACATTGAGTTCCTTCCTACA
TCAAATAGCTTGTTAACTATCTAGTAACTTCGTTCCACTCCCCCTCCCTGCCCTCGTCGCACTAGGGAAAAATGG
TGGTCATGTAATAATGAAAAACGTTAAACAAAGCATGCATTAGAGGGCTTTTTTTTTTCTACTATAAGCATGT
TTGTCTGTTTGGTGTGAAGAAACCCTGTTTGGCGTTCTTGT

>trans_s_4288 AB489996|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitLhc mRNA for light-harvesting complex II protein, complete cds

ACACACATCCTCTTCTTCATCATATCATAAAACACAGTCCGTTACATACCTGAAATCTTCCATCTCAAAAACCAT
GGCTGCAACTTCTGGTGTCTGTGCTTAATGGATTGGGCTCACCTTCTCCGTGGAAGTAGCAGAACTCGGACC
TTGCTGGCCGGAGCTAGAGGTGGTGTCAATGTTGTCAGCTCTAGCAAGCTTGTGTCATCGCTGCTGCTCAGC
CTAAGAAGTCTTGGATCCCTGGTGTAGGGGTGGTGGCAACTGGTCGACCCAGAATGGCTTGATGGCTCACT
TCCAGGTGACTACGGCTTCGACCCATTGGGTTTGGGGAAGGACCCAGCATTTTGAATGGTATAGAGAAGC
AGAGCTGATCCACGGGCGGTGGGCAATGGCAGCAGTGGTCGGAATCTTCGTCGGACAAGCCTGGAGTGGAA
TCCCATGGTTCTGAAGCCGGAGCAGATCCAGGCGCAATTGCTCCATTCTCTTCGGATCACTTCTAGGAACCCA
GCTTCTGCTGATGGGATGGGTTGAAAGCAAACGATGGGTGGATTCTTCAACCCAGAATCTCAATCGGTGGA
ATGGGCAACGCCATGGTCGAGGACGGCAGAGAATTCGCAAACGCTACCGGAGAACAAGGGTATCCCGGAG
GAAAATTCTTCGATCCATTGGGATTTGCAGGAACCTCTAAAGATGGGTTTACATT

>trans_s_4289 EU675234|Helianthus petiolaris isolate PetNM1_1 histone deacetylase 15-like protein gene, partial cds

GAATATATGTGACGTTGGAAACGAACAATTATATAGAAATACCAAACCTCTGAATATTAATATCATATTTGAAA
GGTAAATTAATGAAGGATTAGAAAATGTTTAGCCACCAAAGGTACTGTATAATGAGTGTTGAAGAAGCATATC
ACACTTCGAAACCTATTGAGAATATAAATGATGATCTGCAAGTGCAGTCAATAATAGGAAAGTTGGCTGTTGA
AGACCATAACAAGAAAACAGGAGAGAATTTGGAGTTTGTGGATGTGGTGAATGGTTTGAGAAGTGAAGTTTT
TGTTAAACCTGGGTGTACTCATGAAGGAATATTATATCATCTTTTGGTGGAGGCTAAACCATAGAAGGAATT
AATTGGACATATGTGGCCAAGTTGTTAGAGCTTTACGTAGGCTGCCGAATAAGGTATGAATTCAAATCTTTTG
AACCTTTTCTCCCACTACAACCCCTAATATTACCCCTCATCTCTCTACCTACTTGTACATGCTAATTAATAA
ATTGTATCTTTTAATAATATCGTATATCAAAAATGTTTGCACCATAGTTGCATTTAGACTTCTCAAATTGGACCC
TCCAATTATATAATCAATGCGATTTATACAATTATATAAGTATGAGCATCCAATTTTGAATTTTAATGTATTT
GAGAATAGTATAATTTTGTCTTCTAATCTTCAATTTGTGCATTC

>trans_s_4290 FJ851362|Populus tomentosa IAA-amino acid hydrolase (ILL3) mRNA, complete cds

GTCTGTGGCTGTGGTATATTATCTTCTGTTGCGACCTAACCCCTAAGCCCTTCGTCATCACGTCCGGTCGCTGCG
AAGAAAGCCGAGAAGGATCCCCAGGTCATCAACTCTTCTTTCAGCCCTTGCCGAGCCGCAGAGCCGTCACTGT
CGCTTTTCACTTCTCGGTGCAGTTTACTTCGTCAAGTTTCTCACTCTTGTACTGCTCGTTTTCGAGTGTTTCATGG
TGGGTCGGACGTTGGAAATATTGGATTAAATTTTGTCTGTCAAGTCCCTCGTTTTCTGGAATAGGGTGGGG
CATTTTGTGGTTTAAGGTGAAATGCATTTGCCGATAACAACATTCCTCAACTTTTGTCTCCTCAACTATTTAT
TTATTTATTTTCACTTCTTGTACCTTGGAAATCTTAAATTTGTATTGATTGTTATCTTCGTAATTTGGGCT
GTAAGAGCCAGCACTAGAAGGAATCAACAACCTGGTACCATGCCAACGTTTGAGTTTTATTTCTTAATTATGC
TTTTGTGCATCCCGTGTACCGAATTGGCCCAAAGAATTTCTCAATTTATGTCCTATTAGTTGGGATTTATGGAC
TAAAGATCGTGACTTAGAGATCCACCTTCTTGAATTTGTTTCCATTTCTTAATTGATAGTGCATTGTTGTATTT
CTGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4291 AJ310148|Rauvolfia serpentina mRNA for arbutin synthase (as gene)

ACTCTGAAGAGTGCTCAAATCGACGAATTGGCGTTAGGATTGGAAATGAGTGGACAAAGATTCATTTGGGTG
GTTAGAAGTCCTTCCGACAAAGCCGCAGACGCCACATATTTAGCGTCCACAGTCAAAGTGACCCACTCGGTT
TCTTACCGGAAGGATTCCTAGAAAGAACGAAAAACAGGGGAATGGTGGTGCCGTCGTGGGCGCCACAAGCT
CAAATCTGAGCCACGGCTCCACCGGTGGATTTTAAACGCATTGTGGATGGAATTCAACGTTAGAGAGTGTGG

TAAATGGGATTCTCTGATTGCTTGGCCGTTGTACGCAGAACAGAGAATGAACGCAGTGATGCTTACGGAAG
AGATTAACGTGGCATTAAAGCAAAAAGGAATGAGAAAACAGGGATAGTGGAGAAGGAGGAGATATCGAAA
GTGGTGAAATCTTTGTTGGAAGGAGAAGAAGGGAAGAACTGCGTCGGAAAATGAAGGAATTGAAAGAAGC
ATCGGAAAAAGCAGTTGGAGAAGATGGATCATCCACTAAGATAGTGACCAATTTGGTGAACAATTGGAAGGC
TAAAATTTCCACTTAGGAGAACTCTATTTCAAATTTGAAATTTTATGCTTTTGTTAATTTTACGTGTTTGTTCCT
AATAAAAGTATTCTTCATTTGTTTATTACAAAAA

>trans_s_4292 NM_001053936|Oryza sativa Japonica Group Os02g0610700 (Os02g0610700)
mRNA, complete cds

TTGCACTTTGGAGATGGCTGCTGCTTCTGCTTCGCTGATTCTCCCATCAATGGAGGAAACCTTCGCCTTCCC
AATACCTCTCTTCCGCCATAGTCACCTTCTGCTACTTTCTCCAGTTGGGTTGGAGTAGGGACCAAGATGTT
GGCAGAAGTACCCACAGAACGAGGGGTCAAGCATTTGGAATCTCTAATGTCTCGCTGCTAAAGATGGGTTA
ATCAAACAGGTGATTATGGTAGACCCCTTGAAGCCAAACGTATGGCGGCAAAAGAAATGGAAAAGATCAA
GCGAAAGAGAAATTCAAGAGAAGACGTCAAATAGAAGCGATTAATGGAGCATGGGCAATGATCGGTCTGAC
GGCTGGGCTTGTCAATTGAAGGTCAAACCGGAAAAGGAATTCTAGCACAGTTGGCCGACTACTTCAGCATCCTT
ATCAACTTCTTCATACGGTAGAAGCATCTTCGAGGGGAAAAGGAGATCTTTGAATGAAAGAGGCAGTGAGAT
GAAGAAGCAGGTTCAACGGTCTTTGTTTTGAAGGATTCTATTGGCAATACAATTAATGTACTACCATTTTTT
TAAAATATTCTCCTCTGTGAAGTCTATAAGCTTGAATGATTCAAGATTAATTAATTAATTATATTCAATGATT
GAGTTTAATTAATTAATTACATTAACCAAAAAA

>trans_s_4293 NM_106527|Arabidopsis thaliana glycosyl transferase family 1 protein (AT1G78800)
mRNA, complete cds

TCAAAGGTTGTATTTTATTGTCATTTTCCGGATCTCTTACTGGCCAAGCACACGACAATTTTGAGGAGGCTGTA
TAGAAAACCCATAGACTTAATTGAAGAACTGACAACCGGAATGGCAGATCTGATATTAGTTAATAGCAAATTT
ACTGCATCCACTTTTGCCAAGACATTCAAACATCTTGATGCACGAGGAGTTCGACCTGCTGTTCTCTATCCAGC
GGTTAATGTAGATCAGTTTGACGAGCCCCATTCTTCTAAGTTGAGTTTTCTTCTATCAACCGTTTTGAAAGGA
AGAAAAACATTGAATTAGCTATCTCAGCCTTGCCAAGCTTGGGACGCTTGAAGGAGGCACTCTTCAAGATTA
CAATGTAGCTGATGTTTCCTTGGTCATTGCTGGAGGCTTTGATAAACGGCTAAGAGAGAATGTTGAATACTTG
GAGGAGCTCAAGAATTTAGCTGAAAGAGAAGGTGTATCAGAACGTGTTACCTTCATCACATCCTGCTCAACAC
TTGAAAGAAACGCTCTTCTTTCCCAATGCCTATGTGTTCTCTACACGCCAAAGGATGAGCATTTTGGCATTGTT
CCTTTGGAAGCCATGGCAGCTTACAAGCCAGTTATTGCATGTAACAGTGGGGGTCCAGTTGAGACCATAAAAC
ATGGCACACAGGATTTCTTTGTTTCGCTAATTCTCAAGAGTTCTCT

>trans_s_4294 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AAATATTTTCTTTTCACAAAGTTTCAGTCTACTTGAGCCACAGAAGATGCTTTTTGACCAATAGCTACATAAACAC
ATATTACATTTTGCCCTTGTTGATTGAGAATCGTATCCGTGGCTACTGCAGTTTTACCGGTCTGCCTGTCCCCAA
TAAGATTATCTCGCTGACCACGTCCGATAGGAATCATTGAATCAATAGCAATAAGTCCTGTTTGAAGAGGCTC
GTATACGGAACGTCTCGAAATAATACCAGGAGCGGGGATTCAATTAACCGAGAGTCAGAAGATGAAATTC
ATTTGCGCCATCAATAGGTTTAGCCAGGGCATTATAACACGACCTAAATAAGCCTCGTTACTGGTATCTGAG
CAATTCTTCCCGTTGCTTTTACAGAACTCCCTCCTGTGCGTCACCCACATCACCCATTAATACAACACCAACATT
ATTTGATTCTAAATTTAGAGCTATGCCTATAGTACCCTCTTCAAATTCTACTAATTCACCTGCCATTACTTCATGT
TCTGGTATTTATGCTCGTTACGGTGATAAGCAGTGAAGTACAGTACCGGTATTTACAATTTTACTTCTCTATTA
TATTGCTCAATACGTTACGAATAATATTACTAATTTTCATCTGCTTGAATGGTTACCATGAGTATTTGTAATTA
TTACTGTCTGTGACTCAGGCCGACCTGCGTGTACACA

GCCACCCCTTGTCTGTGAAAAAGCCAGAAGGTATTCTGTACACCTTTTGAGTAGCGACGATGGCTCCGGCGAAG
AAGACCAAGAAGACTCACGAGAGCATTAAACAACAGGCTGGCCCTTGTGATGAAGAGCGGCAAGTACACGCTC
GGTTACAAAACCGTTCCTTCGCACTATCAGAAGTTCAAAGGAAAGCTTATTATTCTATCGAACAACTGCCACC
TCTGCGTAAATCCGAGATTGAGTACTACGCAATGCTTGCCAAAATCGGAGTTACCACTACAACGGAAGTAAT
GTTGATCTTGGAAGTCTTGTGGCAAGTATTACCGTGTCTCCTGCCTTAGCATTATCGATCCAGGTGATTCTGA
TATTATCAAATCGCTTCCCGGCGATCAGTGATTTTTGTCAATTGAGAACGTTAGTTGTTTTTCTTCTTTTGC
ACCTTTTCTCTTCAGCAAAGGTAAAATTTGCACTGATTTTAATGTCCCAGAGTAGCAACCAACTTTAAGCATTAA
AATTGTATTGTTGATAACCAGATTTTGTCAATGTCTTTGAGATTTTATGTAGAATGCTCAAGTAGTTTCATACCT
ATTTATGCAAGCAATTGAGAATCGAAAATCTCCTTGCCTTTCGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

[illegible]

AAAACTTCAACGTCGGCAAGAAGAGCGGGAATCAAATCATTCCCTCTCTGAAAACCTCATTGATTTGTGTGCTTT
TCTCTTTCGATTTCTTGCAAGAACTATGTCTCTGCTCTCCGATCTCATCAACCTCAACCTCTCTGACTCCACCG
AGACATCATTGCAGAGTACATATGGATTGGTGGATCAGGCATGGATCTCAGAAGCAAAGCGAGGACCCCTTC
TGGCCCTGTAAGCGATCCTTCTAAGCTTCCCAAATGGAATTATGATGGATCTAGTACAGGCCAAGCCCCAGGA
GAAGACAGTGAAGTGATCCTTTACCCACAAGCAATTTTTAGGGACCCATTTCAGGAGAGGCAACCCGCGGAGG
TTTATATGTGATGCTTACACACCAGCTGGTGAGCCGATCCCCACAAACAAGAGACATGCTGCTGCCAAGATCT
TCAGCCATCCTGATGTTGTTGCTGAAGTACCATGGTATGGTATTGAGCAAGAGTACACCTTGCTGCAGAAGGA
TGTA AAATGGCCAATTGGGTGGCCAATTGGTGGTTTCCCTGGGCCACCGGGACCGTACTATTGTGGTGTGGT
GTTGACAAAGCCTTTGGTCGTGACATTGTTGATGCCATTACAAAGCCTGTTTATATGCCGGGGTTTAACATCA
GTGGTATTAACGGA AAAATGGTGCCAGGGCCGTGGGAATTTCAAGTTG

CAACATTCTGAAAGGACTGACGAAAATTTTTCAAGGACGGAACGGGTTCAAGGACCTCCTGTTTCTGTGCATC
AGACTGGAAGGCAGATAATCCATCTTTTGATCGAAGAATAGTCAAGGAAGGCGAGCGGAAGGATAACAAG
GCAGATCCAGAGACGCAAAGGAGGAATTTCCGTGATAACCGAAGGAAGAAGAGAGAACTGATAAACACA
GCAGCAGCATGAGCGACCACCTTCACCAGAGACTTGCGCGAAGCCTGCTGAGCAGCCAAAACCTGCCTCCCC
AAACGCTGGCGGCATGCGTTACGGGAAAGTAGCTTCAGCACTTGAGCTGGCTCAAGCCTTCTCTAGATCAGTC

TCAGATTCAAACGTGCCCCGATAGAGTTCCAGTCAAAGGAACCTGCCAGGCCGGTCTCAGATGCCTTTTTCAC
GGCTAATGGGGCCATCCCCTAGACCTCAAATTAATGGTTATTAATAAATCAACCGTTCTGGGTCAATGGGAAA
AGGAAAAAAGAAACAAAAAAGAAAGAAAGAAACGGGTGGGGGGGGAACAAACGCAATA
AGAAAAAAGAAGTTGGAACTTTTAGTTTGTTATTTGGCTTTGCTATATGGTGAAATGATTGTATTGAGACA
GTGATACACGAACAGCTGCTTCATTAATTTTCATGGCGAAGACTTTATGGATTTTCTC

>trans_s_4299 AB077108|Prunus persica mRNA, microsatellite marker M3b

TGAGAAAGGCCGAAGCCGAAGCCGAAGTGGGCACTGAGAAAAATCAGAGAGCAAGTCTTTTGGGGGCAGGA
AGAAAGGAGGGAGATCGAAATGGCGTCCTTTATGCAGTTCCTCGTTGATCCAAAGAAGAATTGGTTCGCTCGT
CAACACATGAAAGCGCTCACCAAACGACTCCGTAATTATGGTCTTCGATATGACGATCTGTATGATCCGTACTA
TGACGTTGATGTGAAGGAGGCTTTGAATCGACTCCCGAGGGAGGTTGTTGATGCACGCAATCAGCGTTTGAA
GCGAGCCATGGACCTTTCTATGAAGCATCAGTATCTTCCTGATGATCTTCAGACAATGCAAACACCATTCAGGA
GCTATCTTCAGGAAATGCTGGCACTTGTAAGAAGGAGAGAGCAGAACGTGAATCATTGGGAGCATTGCCCC
TTTACCAGCGCACCATTCTTAAGCTATTTATAATTTTCATAGTTATTTTTGGATGGAGTAAATGTCGTTTAAAG
CACAGTTTCTTCATGTGTGATGGATTGGAACATCTCTCCATCATTTATTTGTTTTCACTTTTGTATTTATTAT
CAAAGTTTCATTACCATCTGTTTCGAGTCATTATTGATATATAATAAGTGTAAGTATTTTATCATCTCGATT
GGATTTTCATATGAGATTTCTCCCTTCCCGGCTAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4300 NM_001125183|Arabidopsis thaliana NADH-ubiquinone oxidoreductase-related
(AT3G18410) mRNA, complete cds

AGCGATCCGTAGACTGAGAACAGGCACAAGGAAGAGGAGAGAAAGAGGAAAAGCTATGGGGAGGAAGAA
GACAGTGGAGTTTCGATGAATCTCCCCCGGACGATTTTCGATCCGGAGAATCCGTATAAGGATCCAGTGGCGAT
GTTAGAGATGAGGGAATACATTGTAAGAGAGAAGTGGATCGATATTGAAAAGCCAAGATACTGAGGGAAA
AGCTCAGATGGTGCTACCGTATTGAAGGAGTCAACCATCTGCAGAAATGTCGTCACCTCGTTCAACAATACCTT
GATTCCACTCGTGGCATCGGCTGGGGCAAGGACGGGCGTCACCCATCCCTTCACGGTCCTAAAGTGGAGCCA
GCCGAATCGGAGTGAATCGCTGGGTGGAACAACGGTAACTAAATGGCTTGCAGGGAAAATGTTTGGATGGTT
TGACGACCCTCATCAGCTGTAGTTTTTTATTATTATTCTTTATAAAAAAAAAAAGGAATGTGCATGGATCA
TCACAAACAATGCTATTGGCAATTGATTAACGTTAGGTTTTTTGTAATTGTCAATAAACTTAGACGTCAGAAA
CACACCCAAATAATCAACCTCTATCACTGCATCCTTCTGTTCAACCTCCGTATTACTCTTTTCGTTTAAAGTATT
GCTTCATCAGGTTGCTATTTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4301 FJ436357|Vigna radiata ubiquitin-conjugating enzyme E2 mRNA, complete cds

CCCCCTCAGCTTTCTCGTCGGAGTGGCCCCCTCCAGATTACCGTCCATGGCGTCGAAGCGGATCTTGAAAGAGC
TCAAGGATCTCCAGAAAGATCCTCCTACTTCCTGCAGCGCCGGTCCTGTGGCTGAAGATATGTTTCATTGGCAA
GCAACAATTATGGGCCCTCCAGACAGTCCTTATGCAGGAGGGGTTTTTTAATTACTATTCACTTCCCTCCCGA
TTATCCATTTAAGCCTCCTAAGGTTGCTTTCAGGACAAAAGTTTTTACCCAAACATCAACAGTAACGGTAGTA
TTTGCTGGACATCTTGAAAGAGCAATGGAGTCCTGCTTTGACTATATCAAAGGTGTTGCTTTCTATTTGCTCC
CTTTTGACCGATGCGAACCCAGATGATCCACTAGTGCCAGAAATTGCTCATCTGTACAAGACCGATAGGGCCA
AGTATGAGACAACGCAAGGAGCTGGACTCAGAAATATGCTATGGGCTAGTATGTATTACGGGAAGGGCATG
AGGGATGTTGCTGTTGGTTCTCATGTATAAATGAAAGTTTTCTGTACAATCTACTATTGTGGGAGATTGAAATA
ATTCTATGTTGTCCAATTTGAATCAACCTGATGCTTTAAGTTTGTGTTTCGACTGATATATATCAATTATATGGA
ATTGATTTTGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4302 X74421|S.tuberosum mRNA for glucose-6-phosphate dehydrogenase

TTTGTGATTGCTTGCAACCTTCAGAGGCCATGTACATGAAGCTTACGGTCAAGAAACCTGGACTGGAAATGT
CAACAGTACAGAGTGAATTAGACTTGTCTTATCGCCAACGCTATCAGGGTGTTACAATTCCAGAGGCATATGA
GCGTCTCATCCTTGACACAATAAGGGGCGATCAGCAGCATTTTCGTTTCGTCGAGATGAGTTGAAGGCTGCCTGG
GAGATTTTCACACCATTGCTGCACAGAATCGACAATGGTGAGCTGAAGTCGATTCCATACAAACAAGGGAGCC
GAGGTCCAGCTGAGGCTGATGAGCTATTGGAAAAGGCTGGTTATGTTCAAACCCATGGCTACATTTGGATCCC
TCCCACACTGTAAAAAATATTATTTGATTTCTGTTGTCGATGTAAAAAAGGCCTGATCTGCAACGGTGCAGAGT
GGCATATGAGTTTGGTACTTATCATCGATCCAAAATAAGGATTTAGTGTGGCGTGTATGCGTGTATAAAATAA
TACCAAGTTTTACATCCATTTCTAATAATCATAGTTTTTATATCAATATTGAAAAGCTCGTTCTTATTTGATAAT
GTACATGTTTTTTGTTTGTATTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4303 NM_121476|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT5G14720) mRNA, complete cds

ATCCCTGAACCTCACACCTGCTCTACTCCTCCCATCAATGCAGTGCATTTTGCAGCAGAACATCGTTCAACGGG
AAGAAATCTTAACTGATCAAGTGTGGGAACAAATGACTGATGCATCAGAGACGGTCACCAATGACTTTCT
GCAGGTACCACCACTTCCTTGAGGGAAAGAGAGTTGCAATCTCAGGTCGTTTCATCTGCAGCAGAGAATTGAT
CATCTCGTTGAGGAATTAGAGAAGCAAAAATTGAAAAATGCCGAGTTTGAAAGACACGTGATTTCTATGGCA
AATAAAGAGAAAACATAAAAGATAGCACGTAGAGCGTAATGGGTAATAGATCATCCTGATGCCTTCGTCTTGC
TTCTTGATTATCTTTATCAATTCATGTGTGACTGTCTTTCCGCAAGAAATCCAGTTGATGATATTGAGGCA
ATCGTTAATGTATTTGTAGTGTACTATATAAGTGTGATGTCAAAGGCAGACACCGAAAATTTTGTGTTCTTTA
TAATGTATTTCTATGTATCTTGAATGCTGATCTTGAATATATTGCAGTTTCTGTTTTCTTTCTTCTTATAAC
GATACGTCAAACCGAACCTACAGTTAATATACAGAATATTGAATGATATTCTTCTGCAAACCATTTGGAGATATT
TCATTTTTTTCACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4304 BT020358|Arabidopsis thaliana At1g63660 gene, complete cds

ATTCTTCAAACCGTTGGCTCTCCGTCTCATTGTCACACTCTCTCTGCTACAGCAGCCACCTTCTTCAACCTCTTG
ATTCCATCTCCCATCAATGGACCCTAAAGAAGTCAAGTCCGATTTGGTTTTGATTCTCGACTTTGGTTCACAATA
CACCCACCTCATCACTCGTCGGATTGGAAGCCTCTCTGTTTTTCTCTTTCGATTCGGGTACTTCATCGCTTAAA
GCCATCACTGATCTCAACCCACAAGTTGTTATTCTCTCCGGTGGCCCTCATTCTGTCCATGCTTGTGATTCCCCG
AGTTTCGTTCTGGGTTTGTAGAGTGGGCGGAGGCGAATGGGGTTTATGTTTTGGGTATTTGTTATGGGCTTC
AGTTGATTGTGCAGAGGTTGGGAGGTGTGGTGGAGGTTNGGGGAGAAGCAGGAGTATGGGAGAATGGAGA
TTGAGGTGGAGAAGGCTAATGGGTTGTATGGGACTAAGAGGGTTGGAGACCGGTAAGTTGTTTGGATGAGC
CATGGAGATGAGGTGGNGATTTCCTCAGGGTTTGAAGTTGTGGCAAGGAGTCAACAAGGGGCAGTCGCGG
CTGTGGAAAATCGCTCCAAGAGGTTTATGGATTGCAGTATCATCCTGAAGTGACACATTCACCAGAAGGAAT
GGAGACGTTACGTTATTTCTCTTTGATGTCTGTGGGATTGCTGCT

>trans_s_4305 NM_111143|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C family protein / PP2C family protein (AT3G02750) mRNA, complete cds

CACGAAGAACAACAATTCCTGAAATCCCAACCTTTTTACTTCTCAAAACCCCAACTCCTTTTCAGTAAATCCATT
ATGTGCATTCAGGTTTCGTGTGGCGACCTTGATTTTTCATTCTGGCGTTCCTTTCTTGAGAAATGTTCCGTTGAT
TTGTTTTGAGGATCTCGGAAGTGTGTGGTGGATTCTATCGGTTTGGTAATAGAAATTTATTGCAATCATAG
AATTGAAAGGTTCAACCGGCGTCAGCTGTGGAGTTGCGTGGTTCTGAGTGCTTGGTAGGTCTGGAGTGCTTT
CTTAACGTTGTTAGGGCCCTCGGAATGGGTTTCATGCCTCTCTGGGGACCGCCACAAGCGTACGATCCCTTACT
CTGAGATTGCTTCTACTTCTCGTGATGATGGCGTTATTACTCGAAGGAACTCCAAGAGGAAGATTACGAGAAA

GGGTTCTTCTCCCTCCAATGATTCTTCAAGAGAGATGTCGCTTCATCGAATTCCTGGCCGGATGTTTTGAATG
GAACAACTGATCATGCTTCGCTCTTTACTAGGCAAGGCAAGAAAGGCATCAATCAGGACGCTATGATTGTTTG
GGAGAAATTTGTCAAAAAGAAGAAACAATATTTTGTGGAGTCTTTGATGGACATGGTCCCTTTGGCCATATG
GTTGCAAAAAAAGTCAGAGATTCTTCTCCTCTAAAACCTGAATG

>trans_s_4306 AY039954|Arabidopsis thaliana At2g23980 mRNA sequence

GCTCTTCTTATTGGCAATATGCAGACTTATCTTCAATCTCTAACCATAAGGCTTGAGGAAATGAGGGTGAAAA
GGCGTGATTCAGAGCAGTGGATGCATCACCGCTTGCTGCCGCAGGAACTTCGGGAGAGAGTCCGGCGTTATG
ATCAGTACAAGTGGTTGGAGACTCGTGGGGTGGATGAACAAAAGTTTGGTTCAAACCTCTACCTAAGGATCTTAG
AAGGGATATTAAGCGGCACCTTTGTCTGGCTTTAGTAAGAAGGGTTCCTCTGTTTGAAAGCATGGATGAGAG
GCTGCTTGATGCTATCTGTGAGCGGCTGAAACCATGTTTGTTCACGGAGTACACTTACATAGTCCGTGAAGGC
GATCCAGTTGATGAGATGCTTTTCATTATACGTGGTCCGCTTGAGAGTGTGACCACAGATGGTGGACGTAGTG
GATTTTTCAACCGTACCTTTCTGAAAGAAGGTGATTTTTGTGGTGAAGAGCTTTTGACCTGGGCTCTGGACCCG
AAATCTGGTTCGAATCTTCATCTTCTACGAGGGACGGTAAAGGCCATTACAGAGGTTGAGGCTTTTGCCTT
GTCGCTGAAGAGTTGAAATTTGTGGCCAGCCAGTTCAGGCGCCTTCACAGTAGACAGGGTGCACATACCTTTC
GATTCTACTCGCAGCAATGGAGGACCTGGGCTGCTTGCTTCATCCCAGCG

>trans_s_4307 AC000098|Arabidopsis thaliana chromosome 1 YAC yUP8H12 complete sequence

TCTGGTTATGGACAACTGGAGGACGAACTGGTAGTGCATCAAATAGCAATGTTGGAGGTGGAAGTGGGGGA
GAATTACAGGGGAACAATGCTTACATGGGTAATGGCTATGGGGATGCTAATGGAACACTGGTTATGGAAAT
GCTGCATGGAGATCTGATGGGGGACAAGTAGGTTATACAGGTGGTTATGCCGGTGGACAAGCTCGACAAGC
CCAACAACAGTAATTTGATGATCTAAAAGTGAAGTGGATTTGCCATGTTCTGTGTCTCCCTGTTTGTTCATGA
GAATTGAGATCGATGTTTCCAGTTGCTTATTAAGGAGTGGTCTGTTGCTGACTGAAGCAGTGGCCCAAT
TTGGAACACAATGAGCCTGGTGGGGTTGCTTGAATCCAAGTAGCTTGCAGTATTTAATTTTTCTAGTCTAAAT
AAGTAGCTGTTTTAGAAGTTTACTTGATGCTTCAGTTATTTAGTATTTTGTGGCCGAACGTAGTTAAAATTTGAT
CTCTTTATGAATGTCTATTTAGCTGTCTGGAATCAATTTTTATCTTTTACATTGTTTGAGTTGTAACGATTTGTA
GTCCTTTTAATCATCAGTGGTTTTATGCCTACTACTTATATTCAGATATTTTTATGTTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4308 BT029252|Arabidopsis thaliana At1g31175 mRNA, complete cds

GGGCACCGTTGCGTCTACGGAAAGTAAGAGATGTTACCAATCGGTGAATCTCCGATGTGCGGTGACGATGTC
TGCGAGCGCCTGGAACAAGCTCTCCGAGAGTGTCAACAAGCGAGTTCCAGAAGGTCCGGCGCGGCGGTGAGC
CTGCCGACACCTGAACCGATCTCTTGCAAGTGTCTGGTGGCGACGGCTTGTCTAGCGAGGTGGAGGCGGT
ACGAACCTCTGCTCCAGCGGCGGAACCGCTCTCAAGAGATCGCAGTGCAGCAAGCTAAGTTTTGCTCTCT
TTCTGCCTCTCTCTCTACAATTTTGAACCCCTAGATCCTTGAAATCGGTGTAGAAAAAGGGGAAACCTGCAGG
TTGGATATCGCATCGGAGAAGATGGATTAATGAGTATGTAAAGATAATGGACCACTCGTGTTTTTAAAAATTC
CTTAGAACAAACAAATCTATATCTTCTCGTTGAAGGTCAGATCCCAGAAATTGGAAAAGAATGTGAATTTAT
ATCCCTTCTCGAGGAAAAAACATCAAAATTGTTGAATATACTGAGTGAAATTCCTTCCGAGTCGCACAATTT
GTTATTAGCAACTATATATTTTGGTTTTGTTATAGAACATCTCATTGATATCAATTGGAAGTCTCAATATCAAC
TCTGAATTTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4309 AJ277062|Beta vulgaris crk1 gene for CRK1 protein, exons 1-8

ATACAAACAAATATTGATAGAAGGCGCTTAATTACACATGCTAATGCAAAGAGCAAAAGTGAAAAGTTCCCCC
CACCGCACCAAGATGGAGCACTTGGCTTTACGCTAGGATATTCACGTCATATCGACCCAGCTGGTGTTCCTCCC

GACATACCTTTTAGCTCGACGTTATTCACCTATTCTAAGGAACCAATCCAAGCCCCGGTCTGGTCCACTAGTCCCC
GGTGCTGGCACTGATGGTCCTCATAGACAGAAGAAGCATGCAAGAAGTAAAGGCAAGAAAATCATGGTCTAA
AATTTTGATAAGATTGTGGTTGTAAGTCCGCTGCTGATAGGTGTATCATCAAATCTTCCCACGGTTCATCC
AAATTGGTAATCAAATCAGCCTGGCCTGATCTCAGCTGAGAAGATCATGAATTGAGGTCGTGTAGCATTGATT
TTTCGGTACTCATAGTCACGTTGACCAGATTTTTTCCCCTCGAAAAGGGTACGAAAATTTTATAGATAAGTTTG
CTTTGAAGTGATGAGGAATTTAACAAAGTTATGTATATGTCGATTTGTTTTATCCCAAATTTTCCTTGTTGAAG
TTATAGTGAGACATTCTACAGAATAGTGACCAATAGAGTAAAAAATCATTCTTAAGTCTTTGAATAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4310 NM_001066603|Oryza sativa Japonica Group Os07g0573600 (Os07g0573600)
mRNA, complete cds

AAGAGAACCTCTAAAGAAAAGAAAAGAAAAGGTCTTTCTTCCCGTCGGCCCACTCTCTCGCTTGATCGCACAG
CAAGGCCATCCCCCATCTCCGATCGTTCTGCTGCCGCGCCGCGCAGTCGTGTAGAATTGCCAGCAGTCCGCCG
GAGGGACTGAGTTTCAGTTAAATTTGTTCTGCTGCTGTTTGAGGGACGGCGTTTTTGACATCATGGTTAATGCT
ATTAAGGGATGTTTCATCTCCTGTGACGTACCTATGGCACAATTTATCATCAATTACAATGCCTCCTGCCTGCA
TCCCATAGATTTATAATCCATATACTGGATAACACTCACATGTTTGTGCAACCCCATGTAGCTGACATGATTG
GAACGCCATCTCAGAATTCGAGATCAGATTTCTTATGAGAAACCTACTTGAGCCATGTTGTTAATCGAAGTTT
CACTATATAATTGTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGTTATAGATTTTGCTTCTAAAATTTATTGTGCATTTAAACAG
TTTTACTTTGTAGTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGG
GGCCCCCGGCCCCCAAAACTTAAAAAACCCGCCACCCCC

>trans_s_4311 EF530141|Actinidia deliciosa cysteine protease Cp1 mRNA, complete cds

CCGGGCACGCCACTCAACAGAGCTACCAGCGAAGTACATTATAAAAGCTTATCCAAGTATCTCTCAATATGCA
AATTTACAAACACAAGTACATTACCTTACAGTCTTTTATTAAATGATCAACTACAACAATATGTATCTTTAATTT
GCACATCATTCTATCCACCATAACCGTACCTTAAAGAAGCTTTGCCATTCTCGTACTCTAAGCAACAATGGGGT
ATGAAGCACAAGTTGCAACACCACACATGTTCTTGCCCATCTCCATCTTGAAGTAGCCATCGTCACCCCAGTTT
TCTCCCATGAATTCTTTATAAGCCAGTATGGGATACCATCTTCGACACCATAACCAACTGCAAGCACAGCGTG
GTTTACATCCATAGGGGTACTGCCGCATGAGTTACTGGTGTAACCTCCCTTTTGAATACAAGCGAAAACCGCT
AACCACCTCAAATGCTACGCTTACAGGTGCAACAAAAGCAACTGCATGTTTCAATTCATCTTCAGCGCCAAGA
GTGATGTTTACAGAATCAATAACTTGTACTCCAACATTCTCAGAGACGAATTTGCATTTGCCGTCTTTTCCAGTG
TAAGGATATGCTGCTTCAGTGTCAAGGCCACCATGTACTTAATGTACTCAAAAGCTTGGGAAGGCAGTCCAC
CATTGCAGCCAAAGTGGTGGCCCCTACAAGTACACCGAACA

>trans_s_4312 NM_001056491|Oryza sativa Japonica Group Os03g0320900 (Os03g0320900)
mRNA, complete cds

AGTTGACGGCAACACAATCTTCAATCCACGGCTGCTATCGTCAAACAAAATGTGAAAACAGTGTTAATATCCC
CAATTTCTCTCAGCCACATGAGAAAGCCGAAAATTTCTCTAGAAATTTATCTCGAGCTTCAAATCTTTTATTTT
CAAAACACCAAATTCCTATCCCCGAACGCTGTTGAAGATTGAAATTTGGTTGTGATACTGTGAACTCCGCTTC
CCATTCTTCTCCCCCATGTTTCGCCGATTCTCGGCATTAAATGCCACAATCCTATTCTTTTTCTAATTTACTCG
ACCCCTTTTCCCCCAAATTCAACTCATTCAATTATCCCTCTAACCTGCAATTTTCTCCTCATTTCTCAATTG
GATGATGCTCGAAGACCCTTTCTCCACCATTCGCCGCCGACGAAACCGATCGATCGGAGTTGCGTTCCGT
TAAGGTTTCGCTTAGTTCTTTGTTTAGCTCCAGCCATTGGTGCTTAATCCAAGACCTTTGGCTTTTGTGATCAC
TGGCCCAAGCGGGGTGGGAAAGGGTACTGTGATTAAACGATTGAGAGAAGTTCGAGAAAGGCTCCATTTTCG

CTGTTACAGTGACGAGCCGTCCAATGCGACCTGATGAGGTCGATGGAAAAGACTATTATTTCTCTCCAAGGC
AGAGTTTCTTGCTATGGCTGAGAGGAAAGAGCTTCTG

>trans_s_4313 GU339494|Cucumis sativus N-acylneuraminate-9-phosphatase-like mRNA, partial
sequence

ACGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGCTCTCTGTGAAAAAGCTTGCACTCAAATGAAGTTCGACAATGGC
GCTAATTGCTGCTAGAACCAAAATCTCAAGGACTCTCTACTTTCTCTCTTAATTCCTTGCTTTCTCGACCTCCA
TTTCCCTCTAATGGCGTCCAGGCGGTTGCTCGGCTCCACCCGTTCCGAGGATTGGGGTCTTCATTTTCTTCTCT
GCTGTTGCTTCCATGGAACCAGAAACCCTAGGTTCTAGAGGTATCGGGTTTGAATCTTGGGCGTTAAGGATT
ATGAGGATTACCGGAGGTCTCTCTATGGCGATATCACTCACAAGGCTTTGCTCGTTGATGCGGTTGGGACTCT
TGTTGTTCTTCTCAGCCTATGGCTCAGATATATAGGGAAATAGGTGAAAAGTATGGGGTGAACACTCTCGGAA
GGGGAGATTCTCAATAGATATAGAAGAGCGTATGAGAAGCCTTGGGGTAGATCTCGCCTCAGATATGTGAAT
GACGGGAAACCCTTTTGGCAATATATCGTCAGTTCTTCCACAGGCTGTTCTGATTCTCAGTATTTGAAGAACT
CTACAATACTATACGACTAACAAAGGCGTGGCACCTTTGTATCCTGATGCTGAGAGAGTCTTTAAAGCCCTA
AGACAAGCAGGTGTAAAGATAGCTATTGTGTCAAACCTTCGACACT

>trans_s_4314 NM_106177|Arabidopsis thaliana 5' nucleotidase family protein (AT1G75210)
mRNA, complete cds

ATTGAAGACCAAATACATCATTGAAGTGGTCTCTCAAATTTGAAGATATCGAGGCTGATGAGAAGGACAAAT
TATCTACTGGACTACATCAGTTAGAGGGTGAACGAGAACGAGTGCGGTTGAGTCATCAAGATGCTCTACGGG
AATGTCACCGACAGTTTCATGGGGTTTGGGGACAACCTGATGAAGACTGGATATCAAACTCTAGATTTGCTCA
TCAAGTAGAGAGATTTGCTTGCCTCTACAGCAGCCAAGTGACCAACTTGAGCCTATATCCCCAGATAAATACT
ACAGGCCAAGTGAAGATTTTATGCCCCATGAATTTGGCATCATTCCTTTGTGAAAATAGTTTTTATTTAAATTA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCCAATATGTGTCTTCATAAGTTCCTCAAAACAGAGGATTATATAATTAGTTA
ACATTCTAGTACATAGTTTCACTTGCGCCATTTTAATACTTTAGTCCTGTAATTTCTGTTTGCCTTCTATTTGGTC
GCTATTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTCCAAAATTATGTAAAAAAAGTCTAGAAATAAAAAGGATTGATTTTC
TAGTTCTTTATAAAAAATAATAACATAAATTATGGCTGTATATTGTTATTATTTCTTTTACTTATAAAATGAATGA
TTGAGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4315 BT028948|Arabidopsis thaliana At1g15120 mRNA, complete cds

ATATTGCAATTTCTCAGCTTCCAACTAAACCTAATCAGAGTTCCTAGTTTCCTCTCAGATTCGTGTTTCAGCTTT
CAAAGGTTTTCTTGCGTGCTCTTTTGCTCCAAGTCAGTACTATTTGTTAGCGATGGCGGATGAAGAGCCCCTTG
ATCAGAAGAGGTATCTTGAAGAAGCTTGCAAACCCAAGTGTGTGAAACCACTACTTGAATATCAGAAATTAAT
CCTGTCGCTACCCTAGATTGAAGATTTTGCATCTCTCCATGAGTGGGTTTGATATTAGGTACTTTCTGACAAGA
CTTGGGCTTGGGCTTGTCATGGTGAATACCAAATACCATCCTTCAAAGCAGGGAACAGATGGTTAGCGGG
CATGCGTGAAGAGAATCCAAGGAGATGACAGTGGTCATAAGCATTGCACTGGACAATATTTTGATTACTGGTC
TTGCATTGACAAATGTGTTGCACCAAACTATTTACGAACTAAAGTAATGGGAGAGAGTTGTTAGGGATGCT
GGGGATCCTATCCTTTTGCTTTTGAGCATTTTCTGATTTTTATGCAATGTCGTTTTGTGAACCTGATTTTGC
ATCAACAAAAAATGCCAGGGCTGTGAAATTTTAAAAAACTGTATAGACCTTAACCATGGTCAATAAGAAA
GGAGATTGGATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4316 EU373022|Gossypium hirsutum gland development related protein 30-like mRNA,
complete sequence

AAGGGAAGCAGAGACAAAAAGGCTTCAAGAGAAAACGAATGGAGACTCCCGAACCTTCCAATTCGCAAGT
ATGGCGTTCCTTTTTATGCTGCCGCTTGGTTCCCTTCAACTTCTCTCAAATCCGAACACCAACCTTCACAATCTG
AAGATCCTCCTCATCAATCCGCTGATGCTGACATTTCCGCCGCCGACAACAAATCAGTTCCATCTCATCTCGCCA
GTTACTACGTAGCTGCCGCTGGCGGTGGCGGAGAAGGTCGGAGTGGGATTTCCAATGCCCTCATACTCGCTC
ATTTGATTTTGATTCCCGCTCGCTCTCTGATCACCTGTTGCAAATATGGAAGTGGTTCTGATTTACCTTACA
GAATGGCTATTCATCCAGCTGGAGATGGAATTATCTGTTCTCTGCCAAAAAATTGCTGCCTGTTTAAAGTGGAT
ACTGAGAAGGATGCTGGAGATGGGAACTTGGACTAAACTCTCTCAGGAGGTGCTCAGCCCCCTTGAAGAT
GTTGGACAGCAGTTATCATTGGCATTAAACAAAGAGGGCTCTTTGCTTGCCACTGGTGGTGAAGTACAGGATGG
CAATTTAAGGGTCTTAAAGTGGCCTAGCTTGGACATTGTTCTCAATGAGCCCAGTTCCTTCTACGGTCAAGG
ACTTGGATTTAGTCTGATGGCAAATATCTTGTCTCCTTAG

>trans_s_4317 XM_003080843|Ostreococcus tauri protein transport protein Sec23 (ISS)
(Ot08g03210) mRNA, complete cds

ATTTACGACGATCTCAATTTGTGCAGGTTTTTAATAACAGTCCTGATGAGACTGCGTACTTCAGAATGATCCTG
AACCGTGAGAACGTTGCTAATTCTGTTGTAATGATCCAACCGTCATTGATTTCTTACACATTTCAATCAGCACCA
GAACCGGTTCTTCTTGATGTAGCTGCCATTGCAGCCGACAGAATTCTGCTATTGGATGCCTATTTCACTGTTGT
TATTTTCCACGGGGCAACTATTGCTCAATGGAGAAAAGCTGGGTATCACAATCAACCGGAACATCAGGCATTT
GCTCAGTTGCTGCAAGCACCGCGTGATGATGCAGATGCAACAATTAAGGAGAGATTTCCAGTACCACGTCTG
GTGATTTGTGATCAGCACGGCTCGCAGGCACGTTTCCTTCTGGCAAAGCTGAATCCGTCAGCCACCTATAACA
CAGAATCTTCCCTTCCAGGTGGAGATATCATCTTCAACGACGACGTGAGTTTGAAGTCTTCTTGGATCATCTA
CAGAGATTAAGTGTCAATAAAGAACACAGGTGGGATCTCTGCAGTTTTGTAACATTGACTTCTAGTTTGTATA
GTAATTTTTTTTTCAATTTCTATTGAGTGACATTTTGCATTAGCTCACCGCTCTTTTAGATTACAAGAAAAAAC
ATATATGCCTTTTACCCTTTGATGTTTTAAATTTATG

>trans_s_4318 AL161579|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 75

ATGTCAAGAACTAACAACGGAGGCGTCGATGCACGCAGCGCAGAATGAACGACTCCCACTTAGAGTTGTAG
TTCAAGTTCTCTTCTCGAACAGGTTAGAGCTCCGTTAGCGTCGAAGCACAAAACCTCTCGAGACTCTTCAAGT
GTAATGACAAGCATAGATGAAGAATGCCCCAAGGAGTTGGACAGCTGCAAGTCCCTCAAACACAATATGGGG
CACATGAAGATAAGTGAAGACATTCAGAAAACGAAGAAGTTAGCTAAGAAGAGCAGCAAGAACAGTAGAAG
TGGTATGCAACTGTTGCCGTCAAGGTCCAGGAGAATTTTGTAAAGTTATGGATCATGGGTAAAGGGCACGG
GGAGAGTCGGAGTCCCGAAACGTCGGGGAGTTCTCAGAGTCCAACCTTCAGTGGTTCCAGGAGAAATGAAATC
TTCTGGTTCAGACACAAGACAGAGGAGGCACTCAATATCCTAGATTATGGATAAAGCTGTAGCAGTCAAAGT
GTAGAAAGTGGTAGGATGTTATATTGTAATGATTTTGAACAAATTTCTTCTGAGAAAGAAAGAAAGAAAA
GAAAAAAGAAAGAGGAAGACAAGATGTTTAAATGCGATCTGTAGAACTGTTAGATCATTGTACTTGCGC
TTAATATAAAATCTATCTTCATCCAAAAA

>trans_s_4319 BT010525|Arabidopsis thaliana At5g12240 gene, complete cds

AGCTTCTTTTTGCTTTTCTTTCTTATTTTGTATTCCAGAATTTTGAACCCAATTCCCGATTTTGTGAGCG
TAAGGGATTCAAAGCCTCATTTACCATCACGTAGATCCAAAACAGCTATAGACGAGTTTGAATTTTCATCGA
CTTCTTCAATTGTTTCCCGTTGTTTCGATCTCGAGATTATCATGCGGAGACAGAGTTATCTAGACAGTCAACGTC
CAAGTCACCCAAGAGTGAGTTAAATGAATGGCAAGAGGCATGGAATGAAGATGGAGAAAAACCAAGGATC
AAGGATCTCCCTACATGATGCATTCTGGACGAAGCTAAAGTTAGCTGCTGAGCAGAAGGTGGGAAAGGTTG
AAGCAGAGAGATTCTTAACTCATTTCAACAGATACACAATAAACTTGTTAACGAAGAACTAAGTTTGGATGCT
GCCCCGAGCTTTCTGGACTCATTAGTTGCAGTTCCACAGAAGAATAGTATGGCTTTTGTTCATGGGTCTGT

ATTTGATATATAATCTTGCCTTTATTGACCACCTTTTGCAAGAATCTGATTCAATTGCCAATTAAGATTTGGAAC
AGATAAGTTTTGTTTTGAGGGAATTGCAGACAGTCTTTCAGATAAATTGGGTTTTCCACTTGGCCTAAATATTA
TAAATAGATTTGTATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4320 XM_002892160|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thioesterase family protein, mRNA

GGTACCGTATGAAATTGGGAACAGGAGATTAAGCTTACAGAGTCAGTGGTGATGGAGAAGACAAAGAGATA
CCTGGAGAAGCTTGGCGATGATGCGTCCGCCATCGATGTCCTTCCCTTCAGGTTTTATGAAAACCTCATTATGA
CTGGTATTCGCGTTGATCTCATCAACCTGGTCGTATCCTTTGCTCTCTCAAAGTCCCTGCTCGTTTGCTCAACG
AGAACAATTCCTTGACGGAGGTGCTTCGGCCTCACTCGTCGATTGTATTGGTTCTGCAGCGTTAAAGACTTTG
GGCGCTACCACCACCGGAGTCTCCCTCGAAATTAACCTCTCCTACTTAGATGCTGCTTATCTCGATGAGGAGAT
CGAGATCGACAGCAAAGTTTTGCGCATGGGAAAGACCATAGCAGTAATTAATGTCGAATTGAGGAGAAAAAG
CAATGGTAAAATTATTGCTCAGGGTCGCCACCAAGTACCTTGCCTTCTCAAGCAAGTTGTAGTTATAAACAT
CTTTCAGTATTTTGATCTTGTATTGCCAAACCATATTCCTCTGCTTCATGAATTGACATTGCAAATTACTTTTTGT
AGCTTCAACTGAAAGAAATGTAACGATAATAATCTTTCTAGACTTTGCTATTGTATTAATTCGTATAATCTGTT
TTTGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4321 EF614285|Malus x domestica cytochrome b5 (CYB5) mRNA, complete cds

TAATCGCTCGGGCTTTGCCGCAAACAGGGATCCGAACAACACGTTCCCTCTCAGCCATTTTTCTCTTGATAAA
TGGCTTCGGATCCGAAGGTTTCATCTATTCTGAAGAAGTGGCAAAGCACAACAAACCAAGATTGCTGGCTTGT
TATCTCTGGGAAGGTTTATGATGTAACCTTTTCATGGAGGATCACCCCGGAGGTGATGAAGTATTATTGTCA
GCAACTGGAAAAGATGCCACAAACGATTTCTGAAGATGTTGGGCACAGTGATTGAGCAAGAGAAATGATGGAC
AAATATTACATCGGAGAAATTGATCCTTCAACGGTACCTTTGAAGAAGATTTACATTCCATCACAACAAACACA
GCACAACCCAGACAAGACACCTGAGTTTGTGATCAAGATCTTGACAGTTTTTGGTTCCCATGTTGATTTTGGGTT
TGGCATTGCTGTTGACACTACACCAAGAATGAATAAATAGAACCTCTGGAGGGTAACTGCATATTCATA
TCGATTATGTTCCGTAGAAAAACGTTCTCTTAATTTTTCTGTTTTAGCTTCTGTCTTGATTTTCATGTGGG
GGTTGGTCGTAGACTAGAGTTCTCTGGATTGGCTTTTGTATTCTACTTTTAATAATAAGTAAAGCTAAGTGCTG
TCCTTTTTCTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4322 BT004742|Arabidopsis thaliana At1g21930 gene, complete cds

ATCGACAGTCCACAGCATTGCTAGGGCTAACCGTTCAGACGAGACTCATAAAATTCACCGCCCCAGATC
GTAATTCTATAAGTTCATCGCCGGAAGCGTCATCCCCGCCGCAATCGCTGTTTGGCTAATATTGGAGTTG
ATTTTTGCTGCTGTTTCTCAGTAGTAATTGAGTTGATTTTATTGAGGAAGAGATATGGGAAGCCAAGAAAATG
TTAAACATATTGAGGATTGCTCAGTTTCAAATGCGTTGGGTACTTGGGTATTCTCAGTAGCAGGAGCGTTGCT
AGCAATTCCAGTGGGAATAAAGAGGAAATCACTTGCACCCCTTGTCTTTTTGGCACAACCTGGTACTATGCTTG
ACATTATAATGGGAATTAGTGCTTGTAAGAGAACATGCTGAGCGTCAAATGAAGCTATTAGAGGAAGCTC
AAAACCTCTGCTCCTCAATCGTCTCTTAACGATTCCAATTCCCATTCTGATTTTTTGGCTACACGGTTGTTATCAC
CCGTTTCGTATCGTGCCATGCTTAATGACCTTTTCTCCCCCACTGTGTTAAATGATGAACACTCTTGTTGGCATG
GCCTTTGGCTGGGTTTGTTCAGCCTTCTTCAAATCACAGTGACATTGCATCAGTTATTGTTTCAGGAAATCGTTT
GCCTTGGCTTTATTGATTTGCAATAAAATTATTCTTTAGT

>trans_s_4323 AY095998|Glycine max DnaJ-like protein mRNA, complete cds

TCAATTCGCCCTTCCGTATTCACCACACGCCAATCCTTGAAAAACCAACGCAACCAACTCTCAAATCTTCTTC
TTCTTCTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCAACTCCGCAACGCTGTTATGGTGATCTGAAAGTCGTTTTTCAGTTCT
ATTTTCGGTCTTCTGGTTGTGTTTCAAGCTGATTCAAGTTTTTGATTGATCGGGGAGGAGGATCCGACGGCG

GGGCTTGTTATTACACTATTCTCGGTATTCGTAAGGATGCATCTCTCTGATATCCGTACTGCCTATCGCAAGC
TTGCTCTGAAATGGCATCCGGACCGGTGGATGCGGAATCCGGCGGTGGCTGGAGAAGCGAAACGGCAATTTT
AATTAGTACAAGAAGCGTATTCAGGAAAATGGCACTAACGCGCGTTAGGTTGCTCCGTCTGCCTCCTCTCT
CACAGTTCTCTCCGATCAGACGAAGAGGTCCGTTTACGACGCCGGGCTTACGATCCGACGGAAGAAGACGA
TGAGGAATTTTGCATTTCATGCAAGAGATGATCACGATGATGAACAACGTCAAACCGGAGGGTGACAGCTT
CGAGGACCTCCAGAGGATGTTTATGGAAATGGTCGGTTCAGATGGCGTGGAATGTTCAACATGAACGACAA
TCCAACGGCCTCCAAGAGGCCACACTTTGGTAAAAGGTGGC

>trans_s_4324 AB018412|Populus nigra PnChlPGK mRNA for chloroplast phosphoglycerate kinase,
complete cds

ACATAACAATACTTCCCCAATTCGCTAATTCGCTTCCTTCTCTGTTTTTCACTCACCCAACAAAACCCACTTCACT
CTTCTCCTCTGCTTCATCATCATCAATGGCGTCTGCAGCTTCCCGTGCCACTTTCATCTCCTTCCCACCACA
TCCTCTTCCACCTCTTCAACCCGCTCTGCCCTTCTTCAATTTTCCCCTCTACCACTTCTCTTCTCAATTCGCCT
CCGTAGCGCCGCGCACTCCTCGCCTTGGCTTGGCGTGCAGACCCACTTTTCTCCCTCCATGTAGCTTCCAAGAT
TCGGTCGTTTGGGGGAAGGCTTCGAGGGGTGTGGTGTCCATGGCTAAGAAGAGCGTTGGGGATTTGACTG
CCGCTGACTTGAAGGGGAAGAAGGTGTCGTGAGAGCTGATCTGAATGTGCCTTGGATGATAATCAGAATA
TTACAGACGACACTAGGATCAGAGCTGCTATTCCAACAATCAAGCATTTGACGGAGAAGGGAGCTAAAGTTA
TTCTATCCAGTCATTTGGGACGACCAAAAGGTGTGACTCCAAAGTACAGCTTGGCTCCTTGTGCCTAGGCTT
TCTGAACCTCTTGGCTTTCAGGTTGTGAAGGCTGATGACTGCATTGGTCTTGAGGTTGAAAAGTTGGTTGCTTC
CCTGCCCCGAGGGTGGAGTTCTTCTCCTGAAAATGT

>trans_s_4325 BT004553|Arabidopsis thaliana At5g07960 gene, complete cds

ATATCGAGGCTGAGTCGTCGAGGCTCGAGAGCCAGTCAAGAGATGTCGACACAAGCGAATGATCCACGGCA
GCCGTCGGCGGTGAAGCCTTTTGTGCTCCGGCAGTGAATCCGCAAGATCTCCCCGTCGATTATTCGGTTTCA
TAGCCGTCGTTTTCGGCATCGCCGGTGTATGTTTCAAGGTACAAGCTTAGTTCGTGGCTGGCAATCATATTTGT
GCCCAATCGCTTGCGAATATGAGGAATGTTGAGAACGATCTCAAGCAGATTTCCATGGCCATGATGTTTGCTA
TTATGGGATTAGTGACAAATTATTTGAGTCTGCGCGACCGGGAACCAAAAGTTAGACTCTATTTCAAATGAT
AACAATGTTTGTCTTTCTTAAAGTTATCTTAGGGGCTCTTTACCGTTACCGTTTTTATATTATGATCTCAAGTGATA
CTGTGGGCAGATCCAGATGTGATGAGGACAAATTTTAAAGAGGTTTACACTTTTTTCTCTTTAAATTCCAAGTT
AGTAATTTGCACGTACATCAACTATGTAATTATTTACTCTTACTCTCGAGTAGATATCACAGTCGTTTCATATTCT
TTTATAGACAGATAGAACATATAGAACTCCACGTAGAACAAGTCTAATCATTGGGATCTATGAGATTTTCTTT
AGCGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4326 NM_128905|Arabidopsis thaliana 50S ribosomal protein L28, chloroplast (CL28)
(AT2G33450) mRNA, complete cds

AAACGCTCTTCCAATTTACAAAGATAAACTCCATCAGTAACAATGGCAGCTTCCGTTGTCTTTGGCTTCACGC
CGGCGGCCACTTCTGCCGGTGTAAATGGCAACCTCCTCAACCAAATTCACCTCAGAACTAAACCCAATTCCGAT
CTAGGGTTTCTCGCTTCTCAATTGAGCGGCATCAAATCTCCTCCAACCACTCACTCATCTCCCCCTCTCCATTT
CTCCTGCTCCTCTCAGACCTTCCCTTCAACCTATTGCTCGTAGAATTTGTCCATTTACCGGAAAGAAAGCAAATA
AGAAGAACTTAGTTTCCTTCTCCAACCACAAGACCAAGAAATTGCAGTTCGTGAATCTTCAATACAAGAAGGTT
TGGTGGGAAGCTGGTAAGCGTTTTGTGAAATTACGTTTGTCAACTAAGGCTTTGAAGACTATTGAGAAGAATG
GACTTGATGCTGTGGCTAAGAAGGCTGGAATTGATCTTCGTAAAGAATGATATGGTAATTCATGACACTTCAT
CTTAACTCATTTAGAATTTGAGGAAGATTTGTTTGTATTCTGCTGTTTTTGCCTCTTCTTGCTTGCTAGTCATCT

GTTTATTTTTCATAGTCACAGTATTCTTGTATCTTTGCTTTCCTCCTCCATTTGGCAATGAAGCTGAAAAATCCA
TCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4327 NM_001065744|Oryza sativa Japonica Group Os07g0224000 (Os07g0224000)
mRNA, complete cds

TCAACAGCGCGGCAGCAAGTTAAGCCTCACCAGCGGCCATGGTTCTCAAGACCGAACTTTGTCGATTCAGTGG
TGCCAAGATATACCCAGGGAAAGGCATTAGATTCTGTCAGGGCTGATTCTCAGGTGTTTCTCTTTGCCAACTCG
AAATGCAAGAGGTATTTCCACAACCGGTTGAAGCCTTCGAAGCTTACCTGGACAGCCATGTACAGGAAGCAA
CATAAGAAGGATATTGCTCAAGAGGCTGTGAAGAAAAGGAGACGTACCACCAAGAAGCCCTACTCTAGGTCC
ATTGTTGGTGCAACTTTGGAAGTCATCCAGAAGAAGAGGGGCCGAAAAGCCAGAAGTACGTGATGCTGCTAGA
GAAGCTGCTCTCCGTGAAATTAAGGAAAGGATTAAGAAAATAAGGACGAGAAGAAGGCCAAGAAGGCAGA
AGTGTTGGCCAAAGTCACAGAAGGCTCCAGGTAAGGGCAACGTTGCCAAGGGGCCTGCATCCAAGGGTCCAA
AGCTCGGCGGTGGTGGTGGGAAGCGTTGATCTCCTTTTTTGGTTTGTGTTTATTAAATTGGCAAGTTTAGT
AGATAGGACATGTGTTAATTCGGAGTACTTCACGTGTTATGAGAAGTTATCTGTATTCTTCGTTGGTTTTGGAA
ATTTTTTTACAATCAAGCAATGCTGTTATTTTTTGTAAAAA

>trans_s_4328 NM_001065602|Oryza sativa Japonica Group Os07g0185800 (Os07g0185800)
mRNA, complete cds

AATCATCAAATCGAACACCCAACCAGCAAGCAACTGTGAAGGAGGAACCCCCATTTCTTCTCAATGGGACACA
AAGAGGAAAAAGAAGCGAAGAAGGAAGCTTTTAGAAAGTATTTGGAGTCTAATGGGATTGTTGATGCTCTCA
CCAAAGTTCTGGTTGCATTGTATGAGCAAAATGACAAGCCTTCCTCTGCTCTCGAATTTATTCAACAAAGACTT
GGGGGTCCATCTAAAGCCGAATATGAGAAGTTACAATCTGAGATGGCAGATTTGCAAGTCAAGTATGATGAG
CTTCTAGCTACACACAAGGAAACCTGTAAAGAGCTGGAAGAACTTAAAAGCTCACATAACATCACTGTAACAT
CTACCAAGGATACCACTGATGATGAGGATGAGAATGATAAGCTATGAAGGACGAATGGAGCTGCACATTGGA
GGTTGATGGATTTTCTGTATAGTAGCCAAGAAAAAATTTGATATCTTATTCGTTAAAGGTATGTGAAGACCTT
ACGCTATCCATGTTTAAAGAGGAAAAAGGAAAAATATTGCTAAATAGTTGAATTGTATGAGGTGTGTATCTAT
CTTTTAACTTTGATTTTTTGACAATGTTTGC GTTGAAAACCTCTCACTTTAGTATGCCAGTTATGTGGTGATGTTT
TTAATGTGCATTTGAAAATGTAAC TAACGATCATCTTTGTTGC

>trans_s_4329 L00936|Gossypium hirsutum 18.2 kDa oleosin (MatP6-A) gene, complete cds

AACCCGTCATTAGCTGAAAGGGCATTTGTAGATGGCAGATCCTGGCAAGGTCAAGACTTAAAGTTTATATGG
CTGTCTAGTGACAAAGACCCTCATCGCACTTCTCGGACACATCACGAGATGCAGACATGGAGCCTGAAAACG
AAGCAGAAATCATTTCTTTAAACGAAACCCCATGTCACAAAGAATCCCAAAGTCCAACACAAGATGACAGCGA
CGAGCCTTTGAAACAGGTAAGGTTTCGGCAGTGATAGAAAGAGAGACATGATTGAAGCATTTTATTGTTTA
GGAGGCGTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTGGAGCATTTTTCATGCCGAGTTAAAAGTGTAAT
TAATAGATTTTCTTTTCTATTTAGTTAAGGAAAAC TGGTTAGCAAATGTGAAAAATTTGTTTTCGATTTT
CATCCCCTCCCCCTCTTACTGAATTCATGTATAAAGAAAAAAGAGTCTCTGATTCCAGACTGCCACCAGGGAT
GATTGATTAAGATAGTTGATTGAATCAAAATATTGTTTTAGGTTTTTATAGGGTTTAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCC
CCCGCCCCCAAAAAATTTATCAATACCCCAACCCAG

>trans_s_4330 U43338|Citrus limon phenylalanine ammonia-lyase (pal6) mRNA, complete cds

AATAAATCAAATCAAATAAAATACCCAACCCACCGCTCCCTCCCTCCCTCCATTTTTCAGCAATAATGGATCCC
ACCACTTGCTACACCAATGGCCACGCTTCAATGGCGGATCCCTGTACTGGGCCGCCGCTGCCGATGGCCTTA

AAGGGAGTCACCTCGACGAGGTGAAGAAAATGGTGGAGGAGTACCGGCGTGGGGTGGTGCGCCTCGGCGG
ACAGAGTTTGACGATTGGACAGGTCGCGGCGGTGGCGTTGCACGACGGTGGAGTTAAGGTGGAAGTGAATG
AGGCGGCGAGAGAGGGAGTTAAGGCGAGCAGTGATTGGGTAATGGACAGTATGAAGAGAGGTACGGATAG
CTATGGAGTTACTACTGGATTCGGTGCTACGTCCCATCGGAGAACAAATCAAGGAGCTGCTTTGCAGAAGGA
GCTTATTCGATTCTTGAACGCTGGGATATTTGGGAATGGAACAGAGTCCAACCACACATTGCCTCACACTGCTA
CGAGAGCTGCTATGTTGGTCAGAATCAACACTCTTCTTCAGGGCTATTCCGGTATTAGGTTTGAGATTTTGAA
TCTATTACCAAGCTCCTTAACCACAATGTCACACCTTGCTTCCCTTGCGAGGCACTATCACAGCTTCTGGTGAT
TTGGTTCCTTTTCTTACATCGCTGGTTTTTTGACTGGTCGTCCTAAT

>trans_s_4331 AJ012655|Prunus persica rps28.1 gene

AGAGTAAAAAACCAAAATCAAGCGGAGGCCGCCGCTTCATACACTCCATCGGTGAGATTTGGAATCCAAA
CTCTGCAAAACCTTCGCCGCCGTTTCTCTCAGATTCACTTAAGAAATGGAATCCCAGATCAAACACGCTGTG
GTGGTAAAAGTAATGGGCCGAACGGGATCAAGAGGGCAGGTGACTCAAGTGAGAGTCAAGTTTCTTGACGA
TCAGAATCGTTACATCATGAGGAATGTCAAGGGACCTGTGAGGGAAGGTGACATTCTTACCCTTCTGGAGTCC
GAGAGAGAAGCCAGGAGGCTGCGTTGATGATAGTAACGTCGTTGCGGTTACTGATGATTATCCTTCTCATCAT
GCACTCTTAAGAATAGAATGATGGCTGTTATCAATTTCCCTCTTATGAAAAATCTGATTTTGATACTGTTATT
TTGTCTCGTACCTTTGATTCTAAGATAGAATGTTTGAAGTTTGAAGAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
GGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTAACCAATCCCCCAAACCCC

>trans_s_4332 Z47076|M.domestica Borkh mRNA for serine/threonine protein phosphatase (PPX)

CTCTCTCTAGGGTTCCATTCTCCATTGTCGCTCTTCTCTCTGCAATCCGAAGAACAGATACATGGATTTGG
ACCAATGGATCGCTAAGGTCAAGGAAGGCCAGCACCTTCTTGAAGACGAGCTTCAACTTCTTTGCGAATATGT
AAAAGAGATCCTTATTGAGGAATCTAATGTGCAACCTGTCAACAGTCCTGTAACGGTTTGTGGTGACATTCAT
GGTCAGTTTCATGACCTGATGAACTTTTTCAGACTGGAGGTCATGTGCCAGAGACAAATTATATCTTCATGG
GTGATTTTGTGATCGAGGTTATAACAGTCTCGAAGTTTTACTATTCTTTGCTTCTTAAAGCCAGATACCCAG
CTAACATCACACTCTTGCGAGGAAATCATGAGAGCAGACAGCTTACACAGGTTTATGGCTTTTATGATGAGTG
CCAGAGAAAGTATGGAATGCAAATGCATGGCGGTACTGTACAGATGTTTTGACTACTTGACACTCTCAGCA
ATTATAGATGGAAGTGTCTCTGTGTCCACGGAGGGCTCTCTCTGATGTGCGAACCATCGATCAGATAAGGG
TGATTGATAGAAATTGTGAAATCCGCATGAGGGGCCTTTTTGTGATCTTATGTGGAGTGATCCAGAAGATAT
TGAAACGTGGGCAGTTAGTCCACGAGGAGAGTTGGTTCTC

>trans_s_4333 XM_002882698|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata beta-Ig-H3 domain-containing protein, mRNA

AGAGATGGGGAGATTAGTCTCTGAGGGCTATGTTCTTACAGTTCTCGCTCCGAACGACGAAGCTATGGCGAA
GCTTACAACCGATCAGCTGAGTGAACCAGGGGCACCGGAGCAGATCATATACTACCATGTAATCCCAGAGTA
CCAAACGGAGGAGAGTATGTACAATGCAGTTAGGCGATTGGGAAAGTTCGATACCAAACGCTCCGGCTTCC
ACACGCTGTCATGGCTCAGGAGGCTGACGGGTCGGTGAAATTCGGACAAGGAGAAGGGTCTGCTTATCTGTT
TGATCCTGATATATACACAGATGGTCGGATATCTGTGCAGGGGATTGATGGAGTAGCTGTTTCCATTGGAGGA
GGAAAAAGCTCCAGAGAAGAAATCAAATTCAGCTCTTAAAGTTGCCACTAAACCAAGAAGAGGGAAGTTGAT
GGAAGTTACATGTACCATGCTTGGAGCATTTGGACAGGACTCTCATTTCTCTCATGCCTATGAAAAATTTAGG
CTATAAGATGGGGCTGTGTGTGTAAAGATGATTGGGGAGCAAGAAAATGTAGAAATTTTCTCGAGAAATCC

GCACAGGATAATTTGAGTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTATTTTTTACATTATTAGGAATACACTGTAATTACATA
TATTATTTTTTGTTAATTTTTATTTTTGAGGTTAAAAAAA

>trans_s_4334 AY021851|Oryza sativa microsatellite MRG4176 containing (TA)₃₈, genomic
sequence

TATTTATTTGCTTGTGTTTTATTTCAATTTGTAACATATAACCCCTGGAAATAGGTAGAAATTTTAATTTAAATATG
CAAATTGTTTATGTTTCCACCAAATGTTCTCAAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAA
AGTGGCTAAGCATAGCTTAATTAGTAAATATCAATTATCATAACAGTTTTTTGTACTTTGTCTTCTACCCTTTATA
GTCATTGATTTTTCTAAAAATAATTATTTATTTCAATAACTTTATCGTTATCATCGTTATTATTAATTATAAAAGA
AAAAGGTTGGTTAAGTTATATATTTTGTGAAAATTTGAATATCTCACCTCTAATTATAATATATGTTTTATCAA
TTGAGGTAGAGTTACATCTGTCTATAAAGGAATTTTTTTGAGGTAGTATAATGTAATTTTTGTTTATATATTAG
AGGAGTTTTTTTTTAGGTACAATGATGTAATTTATTTGTTTCTTATCCGTTTCTCATCCACAAGTACACAATACC
GATGATGACGAATGCATGTACGCTTTTTGCTACTCAAGGGAAAAGCCAACCGAACAAAAACAGTTTCCATTTA
TTTTATTTTTTAAAAAATGAACCTACCATATAATTTGAAAACCTAAAATGATAGTGACATTGACATACATAAG
GGAGTCCCGTGAAGGAGAATATTTAGAT

>trans_s_4335 AL161512|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 24

AAATGAAATGGAAATGTCTTTTAGGTCCAAAAGAATGAGATGTTCAAAAATTTCAAAAAGAAAAACAAAAT
ACTTTCCTCTCATATTCCTCTTTACCTGATTCTTAAAAATCTCACAAATTATCGATTTTCAGAGAATCCGGACTGCT
TTCTCTACCTTGCTCCGCCATTTCTCCCCCCCACCATTTCTTCGTTGCTCGGATCAGATTTCTTCAACTCTAA
CACTCCATTATATTCAAGTTCAGACCAAAAGTTTGAAGGTTTAGCTTCATCGAATTGTGAATTTTAAAGTTGAA
AAGGAGAGAATTCTTTTTCTTTAGTGTATCTATTGCTTCTGGAAATTTAGCTGATTAACAATGTCGGTCACGG
CGGGGGTTAGTGATACTGTAATTGCTGTTAGAGATAAACTTAGAGGTAAAATTGGACAAACAAAAGTTAAGA
GGTACTGGCCTGGAAAGGCTCCTGAGTGGGCGGATGATGCTGATGAAGATGGCGATATTAGGATGGCTAGG
GCAGCTGCTCTTGAGAAAGCATTTCTAGTCAGGAAGATTGAGATCTATCTAGGAAGGATGACCCTAGGTTAC
GCCGTCTAGCTGAGAGTAGGATAGATAATCGGGAAGAGATTAGAGCTGATCATCGACGTATTCGCCAAGCTG
AGATTGTTTCAACCCATGGAAGAGGAACTCGAAGCAGGA

>trans_s_4336 XM_002880256|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal
domain-containing protein, mRNA

CAGCCGCATTACAAGCAGCACAAGCTGCTGCTATTCAAGTACAGCAGCAGCAGCAGCAACAGCAACAAG
CTCAAGAATGCCTATTAGAAATGGAATCATCAAGCAGCCACAAAACACAATCCAAACCATTGAAAACCGA
ACGAATCACCGCATCAGACACCAATCTTCAAACGACAAATCAACCTACCAAGGAGTATTCTGCCGTGATCTC
GCCGCAGTTGGAAATTTGCTATCACAAGTCGGATTAAACCGTCCCCTACCTGTTAAGTACGAAGCATTGAGCT
GCTGAAAAATCACTTGTAACATGGGATTTGAAAATCATGAGGTTTTTTGTTGATACGGCAGGGAAATCTCA
AGTTCAACTTCTCTCATATTCTGTACAAAACCAACAATGTCTGAAAAAAAAAAAAACAACCTTTGAAAATTA
CTGCCGGAAAAAATTTTGGTCACTGTTGTTCAATTTGTTCTTCTATTACTGTTCTTTTTATTTTAAGAA
GTTTCATGTACAGAAATTCATTATGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4337 FJ899656|Jatropha curcas ubiquinol-cytochrome C reductase mRNA, complete cds

AACTCTCAACTTCAACACCGTCGCTGGACCTTTGCGAACCTAACTCGCACAGATCAGGAGGAGGGAACTTTA
GATTAGCATCACCATGAATTCTGCAGCGCGTCGGAGCGGAGGAGGCCTTCTTGAAGGGTTCTACAGAGTTATT

ATGCGCCGGAATCCGTTTATGTCACCTTCATTATCGCCGGCGCTTCGTTGGAGAGCGGGCTGTGGATTATG
GAGTCCAGAACTCTGGGAATACAACAATGTTGGGAAACGGTACGAGGACATTTAGTTTTGGGTCAAAGAC
CATCAGAAGAATGAGTCTCCTTGATTATTGGTTATGGCCATTTTATTGTCATAAACAACGAGTCATCTGATTTAT
ATTTTTGAAATAAGTTTTACATGTCGGATTTAGCCACCTTATATATTGACTTTTGAGCATGGTGGTCTTTTGA
TGTTGGTTCTTGTTATTCCTGTTCATTTATGAAATTACCAATCAAATGTTCTGTTTTATCAGGCTATATTACATA
ACAAATCGTGGTGGGTGTATCTATTTTCATTGATATTGAAGCTTGATCTCGATCTGCTGCCTTGATTAACCAG
AAATGCCATGTGAAAGAACAAGCCATCAAGAAGTTTCTTGATGGAATTTATGTGGGCCCCCGGGCCCCGA
AAAAGATTAACATTCCTGACACCCTAGGGGGGGGCC

>trans_s_4338 GU188961|Gossypium hirsutum salt overly sensitive protein 2b (SOS2) mRNA,
complete cds, alternatively spliced

TAATTTCAAGACAAGGTTGGAAAGAAGGACCGGACACAGGGTTGCACAGTTTGCCGCTGTGCTGGAGATTTA
TGAGGTGGCACCATCCCTTTTATGGTGGACGTCCGCAAAGCTGCCGGAGATACTCTAGAATATCACAAGTTC
TACAAGAATTTCTGTGCTAAGCTAGAAAACATAATCTGGAAACCATCTGAGAGTGTGGGAAACTGAAGCCCTG
CTTGGTTACTAACTGATTCCATGGAGCAAATGAACAAACACATTTAATCAATGATGCAGCAGAGGATCATGAA
GGTTCACCTTCTCCATGATCTGAATTTTCTATATGCTGTTATGATATAACTCAAGAAGTGTGTATATGTGCGC
TCGTTTAATTTTCTCATGCCGACCACTTGAATTGTCATCATTCTGCATTTAAAGGTTCCATCACAGAAGGAG
AAAAAGAAAAGAAATGGTTAAGAGTGGGAAAGTGAAAAAGGCATCCTTAGGAAATTTGCCTTGATTGTACA
TAATGTGATTGAAAATAAATTTTGAATCTTTTTGCTGTGAGCTGTTGAACGTAAATTTGTCAATAACTAACGAA
TAGTCCTTTATAAACTATATTTTCTTTACAAGTCTCAGATAATCCATTTTCCAACATTATAAGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4339 AY037189|Arabidopsis thaliana At1g49410/F13F21_16 mRNA, complete cds

ATAAGAAATCGAAAAATCCCAAATCCGAGTCTAGGGTTTTATCATCGACTTTCGGTCATTCCGATCCTCCCTTT
GTCTTACACCGAACAATTCGAAACCAAAAATGTTCCCAGGGATGTTTATGCGTAAGCCTGATAAGGCTGCTGC
TCTCAAGCAGCTCCGATCTCACGTCGCTATGTTCCGGCGTTTGGGTTGCTGTAATTCGTGTTACTCCCTATGTTCT
TCACTACCTTTCGACGAGAAAGAAGAGCTCAAGCTGGATTTTTAGGTCGTTCCCTAAGTTTTTGACTCGAGCA
TGCGGTGAGGTGAAGTGAAGGCTTCCAAATTATAACTGTTTTCTTCTATTGATCTCATGGGAAAAGAAGGG
AAGGAGACTCGTAATCTTTTTCACTATTTTCCATTTTACCTTTTCTATTGGATAATAGGCAAATGGTTATTTTAG
TGTTTGATGAGACGTGAAACCATTCCATTAAATCTCTGGTTGGGTGTGGGGCAGATAAGGAAGGTTGCATTA
TAGTTAGTTGGTAGAATGTGTTAATGTGAGATGCAGATGACACTGTCCTTTTATGCAGCTAGAGTTATTTGGCC
TTAATTATTATTGTAACCTTATTTATTTTCATATATTAACTCCCAATTATAATGAATAAATATAATTAACCTCCCA
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4340 NM_001073600|Oryza sativa Japonica Group Os12g0568800 (Os12g0568800)
mRNA, complete cds

GGGAGCAATGCTGGTTCCTTGATTGAGCAATCTGTCTCAAGCAAAGACTTTTTGAGTGAATGCTTGTCTCTGA
TGACCATTTGATTAAAGAGTCTGCTGAATGGGCTAAGTTGGCCATCAGCCGTGCCATTTCAATTTAGGCTTCTG
CTGGTTGGCAAATCTTTTTTTCACATTTGAAGTCCTTGTCATGCATATGGGTGTGTTGAGTTGGGGTCCGGATT
GCATCTTACAAGTCTTCACTCTCAGGACAACGGGAAGCTGTTCACTTCTAGTTGTCACTAACTCTGCATCATCG
TCATCATGAAAGCATTGCTAACTATTGCATTAGCAGCATCAAGTCGGGATCTTGATGTCATGGTAGAAGTGG
GAAGAGGGGAGCGTCCATTAGCGCCCCAGTTCGTTTGGCTTGGTCAGTTCCAATTGTATCTCTGACTTGAGAT
AGTGTGTCCAACCTAGTGGGGTTGCCATCATAAGATTTGGGTTGTGAAAATGGATAAAGTACGGGGAGTG
TTCATTCACCTTCTCTGCCCCCTGCTTAGACACCCTAGTTCCTTTTTCTCTAACTTCTACTCTAGTGGTTCTAGTT

AAGGACTTGTTACCCGTTTGTTATTTATTTTTTTTTTGCAAAAGTCGTAGTGAATTTTCATGTCTGGTCGTATTT
TGGTCTTTCCTGTGAAATTCACCTCATATTTG

>trans_s_4341 NM_001050791|Oryza sativa Japonica Group Os01g0750800 (Os01g0750800)
mRNA, complete cds

GTTGAGTCACAAGGCTAGGTGAAGGGACAAGCGAGGGTACACTTGAGAGAGAGAGAGATTTGAAGGAAGAG
AAGCGGAGAAATTCGAGCAGAGCGACAATGGGTGGAGGAATGGGAGCTCACAAGAACAATTTATTGAGGA
TTGGAGTACTGCCAGAGAAAATCTTGAGTATAACTTCGCTGGACTCGCCGGAATTTAGCGATTGTGGGTATC
TTCGGAATCGCCGTTCCCTATCTTGTTTACAAGGGCATCGTCAGAGAATTTTCATATGCAAGATGAGGATGCAG
GCAGACCATAACCGGAAGTTCTTTAAGCACCTCATCAAGGCGCGCAATCAGTGTTTTTAAGTAATAAACCTT
TCTCATCTATGTGAACACTCAACCCTTCCAATTTGGATGGATTATGAGACAATATTGATCTGTGCAAGTTTATG
ACACTTTGTGAATGCTGAGTATTTTCATTTGAAGTTCTGCCTTTCAAATTAATCCTCAATACAGACCATTGTTG
GTTTTGTTTTGTTCTTTTTTCTTAACATGGGGTGCTGTTGGGAGAAGCCCTTCAACTTTATGCTCTTTATATATA
ATATATATATAGAGTGTCAAATAATGAAATACCAATGATTGTAATTAGCTTCGTGGTAAATGCATATCTCAGCT
CCTCTTTGGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4342 BT014718|Arabidopsis thaliana At1g70850.1 mRNA sequence

ATGAACAGAGAGATCATAATAATAATTGTATAGTCCTCATAAAAGTAGTTTGAAAAAATGGCTCAGATTGCT
AAGATTGCTGAGAAGGTGCAGCTGAAGTCATCTGGCGAGAAATCTTTGAGTTTTTTAAGAACAAGCCGACT
ACTTTCCTCGAATGTTCCCTGGAAATATTAAGAGCTATAAGTTTGTGGAAGGAAATAGTTTCAGTCATGGCAGT
GTCTCCATCTGGAAATATGACCTTGTTTTCGGTAGGGCAGTTGAAGTAAAGGTGAACTACTTTTGGATGAGG
CCAACAAAACAATCATCTATGAATGTCTTGAAGGAGATTTGTTCAAAGACTTTGATATGTTCAAAGTGAAAATT
GAAGTGACTGATGGTGGAAAGTAGTGGCAACAGCTCAGTTAATTGGTGTTTGGAGTTTGTGAAGTCAAATGAA
AATGTGGCTCCACCAAATGACTATCTTCAATTTGGAGCTAAAATATGCAAAGATGTGGATGCTTACCTTTGCAA
CAATTGAACAAAAAACATAATATAAAATACCAACTTTGGATTGGTTCTTGAAATTAATATCTTAAATAAGATGG
CTTTCCTTTTAACCTCCACTGTTGTGTGTACTTTATAAAGATAATATTATCAATTTCAATAATCTTCCCATGGTG
CTTTTACTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4343 FJ184033|Citrullus lanatus cultivar New Hampshire Midget eukaryotic translation
initiation factor 4E (eIF4E) gene, complete cds

ATGTAAGTTTCAGATTGTTTTTGACATGGTTGGAAAAATACAGAGAATCATCCGTGTAGGCCAAAGTTCTGTTT
ATCAAGGGATATGTATTCTCACGATAAGGTTTATAAACTATATTTGGATTAAGGTTTTAGTCTTATTTTATAATG
TTATCATTACAAAATAGGCACGCCATTATTTTCTTCTGTTAGAATGGGAATAAATGGAGTATTGAATTAGT
TAATAAGCTGGTTGGTTGTGTTTTCTCTACTCTATTATTCGTTGCAGTTGTTTCTTTCTCTATTCTGCCTCAG
GCTTCCTCTACATTATAGACTCTAAAAGAGTTCGAGATGATCAAAGTCCATGTCCCATATAAGTGATCCAGGGA
GTTTTATGCATTCAATTTAGGAAATGAGATTAGAGTGACGACCTTACTTGAAGATGATTTGTTCTACAAATTG
GACATCTGCGTCCTTGAGTTCTAAGGAAATGAGATTAGAGTGTAAGTACAATCAGCTTAGTTTAACTTTCT
AGGGTCAAGGTTACATCTCTTTTATTGTCCTTCAGTAACTGTTTGGATCGGTTTGGTTTGTACTCTGGTTGA
GTCAGGTTCTGCTTGAGATGTAAACAATGATGAGTGCAACAGAGAATACTTCCCTAGTTTCATGGGTATTCTA
CTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4344 XM_002882379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L22-2, mRNA

ACTGGGCGGCCGTCGATATCTGAATCCTCAACTTCCCTTCACTAACTTAGATTTCTTTAATCGAAAATGAGTCG
AGGAGGTGCAGCCGGTCCCAAGGGGAAGAAGAAGGGAGTAACCTTCACAATCGACTGTTCTAAGCCAGTGG

AAGATAAGATTATGGACATTGCTTCGTTGGAGAAGTTTCTTCTCGAGAGGATTAAAGTTGGAGGCAAGGCTG
GAGCTCTTGGGGATTCCGTCTCTGTTACTCGCGAGAAGAGTAAAATTACCGTAACTTCTGACAGCAACTTCTCC
AAGAGGTATTTGAAGTACTTGACTAAGAAGTACCTGAAGAAACACAATGTGCGAGATTGGCTACGAGTGATT
GCTGCCAACAAAGATAGGAACGTTTACGAACTCAGGTACTTCAACATTGCCGAAAATGAGGGAGAGGAAGAG
GATTAAATTTACCAATTTAGACATTGTATTCAAGGAACAAGTGCCTCTATACGATGCAGGAATCTATCACTGTT
TTTGTTACTAGTGTTGCATGTGTGATGCTCTCTATTTTTATTGAACTAAATGCAGTTTAGCAATTTTGTTTTCTT
TGACAGACCTAGATTGCTGTTATTTTTGTGTCACTTTGAGTAAGATCAACAATTTTCACTTTAAGTTACCCA
TGTTTTTCACTTGTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4345 EF421193|*Nelumbo nucifera* small molecular heat shock protein 10 (HSP10) mRNA,
complete cds

CTCGCACCTGAAATCAAGAACCCTAATTCTTCCACCACACACTTATGGCGAAGCGCTTAATTCCATCTCTCAATC
GTGTCTTGATCGAGAAAATCGTTCCTCCTTCCAAAACCTCTGCCGGCATTCTTCTACCTGAGAGCTCCTCCAAGT
TGAATCCGGCAAGGTGATTGCGGTGGTCTGGTGCACGGGATATTAACGGGAATCTGGTTCCGGTCTGTG
TCAAAGAAGGTGATACCGTTCTTTGCCTGAATATGGAGGCACGTCAGTGAAGCTCGGGGAGAAAGAGTTTC
ATTTGTTTAGAGATGAAGACATTTGGGAACTTTACACGGTTGATTATCAATCTAATTCAACAGTGAAGTGGTT
GTGCCTTTTGTTAAAGCTTCATTCTGGTATTTTTGATTTAGTTTTCTTTCATGTTGTAGCTTATTGAATGCTAGAA
CTAGAATGAAGAACGTGATCAATCAATGATTGGTTTTCCATTTAGTTAAACCTTACTGGAACTATTTTCAGTTC
CTCATTGTCATTTTATCCTTAATCTCTATTGAGTCTTTGTCTTGACGGTCTGGAGGAGTGGGAACTACTATA
GTCTTCAAGTTCTGTGTCTATTGGTAGATTTCAAACGTAACATGGATTCTCATTGAGTTTGAGTTTGAGTTTG
ATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4346 NM_001053626|*Oryza sativa Japonica Group* Os02g0550000 (Os02g0550000)
mRNA, complete cds

TCTATAAGCAATGCTACTGAATTTGGCCAAAATAGCGTGGTGGCTGGTGGTAAAGAGATTGAAATTATTGATT
TGGAAGATGACTCCACTGCCGAAGTAGACAAGACCTTCCATAATGCCGAAAGGAAGAGCGAGACTGTGTTTA
CTGGATTGGATGGCTTTCCTAACACGCACAAAATAATGGAGATATGCCTGATGTTCAAGATGGCTATGGACT
TATGATTTTCAAGATTGCTTGGAGCAGAATTCTCTAACTGTGGTTCTGTACAAGGAGACATTAATTCAATACACA
ATGAAATGCCTCTTTCCAATGGAGAAGGAACTCTGGCGGATGATGATCTAATTTACATGTCCCTGGGGGAAAT
TCCATTGAGTATGCCAGAATTTAATTTCTTTGTCCATCAATATAGTTATGTGATCAATCTACCAAAGGTGCTT
GAACACCATTGAATAAGTTTAACTTAATGTGATGGTAGGAGTTGTGTATTATGCAAAGGGAGGATATGCAGT
TGTTTCACGCAGATTGCGAATGTCTAAATTTTATGTTGGGAAAGGAAATAGGTGAATATTGTAAGACAGAATG
ATAGCTCATGGCCTGTATAAGCCAGTTCTCTTACTTTCTTCATTTGCTTGCCGCTCAATTAATTCTTGGTCTCTT
TACATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4347 BT003147|*Arabidopsis thaliana* At1g36050 mRNA, complete cds

ATCAGTCAAGTTTCAATTTTCTTGGGCTGCTTGCTTTGCAAACAAGCGATTATAATGTAAGTCACCGAATAAAC
AGATTAGCTTTTGGCGACCACTATGATGGCTTGGTAAATCCCCTTGATGGTGTGCATTGGGAATATAATGAAC
AGAACGTCATGCACCACTACTTTGTCAAGGTGGTTCCAATATATATAAAAACATCAGAGGTCGTACTGTTTCAT
TCAAATCAGTACTCTGTAACGGAGCATTTTAAGAGTGTGGAGTTCGGAAGTTCTCAGTCTATACCTGGAGTCTT
CTTCTATTATGACCTTTCTCCTGTTAAGGTGACATATACTGAGGAGCATGTTCCATTTTACACTTCATGACACA
CATTTGTGCCATAATTGGAGGTATTTTCAAGGTTGCAGGAATTGTAGATGCATTATATATCACGGTCAAAGAA
AAATGAAGAAGAAGGTGCGAATCGGAAAATTTGGTTGATGTCTCAAGTTCCCTTTCACGTGAGTCCACTTTTG
ATCAAGCTGATGCAAATTCATATGAGAATCAAATACAATTCTGTCCATCATTGGGTGTTCTGAAAGTAGTAT

TATTTATATTTTCATGGAATTAGATTTTCATTTCCAAACAGAGGTTGAAATCATGATCTCTTTGACATAACACCACA
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4348 AF534782|Cephalopentandra ecirrhosa 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAACTCTTCAGAGTGATGGCCGTCGTCGGAGTTAGCGGGAGGATGGTAGTACATCCGACCAGTCTGAGGGCA
ATGGGAATGAAATCTGGCGACAATCCTGGCACC GGCGTCAAGAATCTCGACTAACTTCCCATGGAGACGAC
GCCGAGGGAAAGGACTAATAATAATAATAATGGACAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCAT
TACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATAGGATCGAAATCCTATGATGTTATCCCATGCTAATGTATACAGAGC
GTAGGCTTGCTTTGAGCACTCTAATTTCTTCAAAGTAACAGCGCCGGAGGCACGACCCGGCCAGTTAAGGCCA
GGAGCGCATCGCCGGCAGAAGGGACGAGCCGACCGGTGCTCACCATAGGCGGACCGATCGACCAACCCAA
GGTCCAACACTACGAGCTTTTTAACTGCAACAACCTAAATATACGCTATTGGAGCTGGAATTACCGCGGCTGCTG
GCACCAGACTTGCCCTCCAATTGATCCTCGTTAAGGGATTAGATTGTACTCATTCCAATTACCAGACTCGAAG
AGCCCGGTATTGTTATTTATTGTCACTACCTCCCGTGTGAGGATTGGGTAATTTGCGCGCCTGCTGCCTTCCTT
GGATGTGGTAGCCGTTTCTCAGGCTCCCTCTCCGAATCGAACC

>trans_s_4349 CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

GCTTTTCCCATTTCTCACCCAACCTCCATCCTTCCCTCCCTTCTACGTCTCGTTCTCTTATTATATAAATCCCC
TCACCTTCTTAAACCTTTCTCCGTTCTGTTCTACACATCATTCCAACCGATTCTTCGACTTAGGGCTTTTTTTTTT
TCCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGGGTTTGTTGGGATGGAGATCGATTCCGATATGACAGAGAGGAACAGT
ACGGAGAAGATTGAAGTTCCGTTTCTGTTTCATAGTCAGGTGAGGAAGATCAAAGAGGAATCCGAGACGATC
ATGGATTGGCGACCTGGACAACCGGAGATCAGACCGCCGACCGCCGCTTCCGCCAGATCTCTCGCTCGCCGC
TTGAAATCTCCGGCCGCCCTATTTCCGGCGGGGATTATAGAAGGAGATTGTTTCCAGTAAAGATATTTTGGG
GCTTATTTCTGCTCCCTTCTTCTTCTTCTTCCAAGTTTATGTAAAATTGCTGTGCTTAATTTTAAATAGAG
AGGTTTTTGGTTTCGGGATTTTGAATTTGGTATATTACTTTTCTTCTTCTTATAATTAATAATATGATATTA
CGCAAACCTCTCGAATTCCTTCCAGACTGTTTCATATGGAGAATATAAAATTTCTAAATAATTATTTCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4350 BT015685|Arabidopsis thaliana At3g09860 mRNA, complete cds

AGATAAGCCGATAGGACCGAAAACAGAAAGTTCTGAGAAGCCAAAGCGAGAGATAGAGAGACGAAGGAA
TGGAGAAGTACTTCGGAAATGCTTACAGAGGCGACCCTGGAGTTCCACACACCGACCCAGGTCGTTTTTTCAA
CATTTGGATTGGAGCCGCCGGGTTTTCTGTTCTTACATGGTTCAATCCCTACATGTGGCAACTCTCCAATCAATT
CAATTGGCATGACAAAGCGTTTTTGTGAGCAATACCACTGGAAAAAGGCTCGTGAAGAATCAGCCATAC
CAGTTCAAGGTACGATGTTCTATTTTACATTGAAACAACCACGTTTAACTTTTAATATCTCATGGAATGG
CTATGTTGTTCTTATAAAATTTCCATTATTGCAGTGGAATCAATACATGGACAAGGACCACCGGGATTCTTATT
ATTTTAACTGGCCTATTTACTTTCCTTAGGTTTCTGATTATGTAAGAAAACGTTGCGTGACTGCTTAGTTATTTT
CTTCGTTTGGGTGGCAAAGACAGATTACTATTGCACCAAGACTTGAAGGGTTATGAATGTGTGGAATCATATT
TCTTTTGGCTCGTTATTCAAACGGCATGCATGTGGTCATTCTATACTGTAGAAATGATTTTGACAATGGAAGAA
CCGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4351 XM_002867255|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L28 family
protein, mRNA

TAACAAGTCAAGGAGGAAATGGAAACCAACGTCCAAGAGAAGCGACTTTTCAGCTATATTCTAGACCGCCAT
ATTCGAGTTAAAGTTACCACTCATGCCCTTCGATGCATTGACAAGGCTGGTGGGATCGATGAGTACCTGCTGA
AAACTCCATACCAGAAAATGGACACTGAATTGGGGCTGTTTGGGAAGGCAAAGATTGAGACGCTGTATGAAG

AACTCGGGAAGATGGAGGTCGTTTTCTTCTCGCCAGAGGACGAAGCTAAATTTGAACAACGCTTTAAAGACCT
GAAATTATCTGAGAGGGCAGCACGAAAGGAGGCAAGAAGAAAGATATATGGTAGTTCGACTAATAAACTCA
ATCAGATCAAAGAGGGCGGAGAAGACACTAATGTATCTAGTGAGGGAGCAGCAAGTTCTGAAGGAGGTTCC
CATGGTGATGACGATAGTCATCAGCAGTGGGTTGCCAATGTTAATTACTTGCAGGAGACTTTTTCTTCTCTC
AACTTGGGCAGTTCGAGCTTTGACTTTTTAGTCTCTCTTTCCAAAGCTTTATTTCTTCAGTTTTCACTATAACCTT
TTGTAGCTTATATTTGTATTTTGTTAATATATACTGTTAGAAATGAGAATTGTTTTTGGAAATTGAGATGTGAA
ATCTTAATACTTTTTGTTCATAAGATTAGCCATAGGCTTTG

>trans_s_4352 AY309087|Chlamydomonas reinhardtii PF2 (PF2) gene, exons 1 through 11

CTCCTCATATCCTCGAGAAGAAGACGAGGAAGGCATGATCCCGCAAGATGAACAAGGTAAGGGAGCATCAG
ACTGATAAATAAATATCATCATTTCTAAGGCCAATTCTTCTTGAAAAAGGGACAAGGGTCAGTCGGTAGTGAG
TGGCGGTTAGTTAGTTATATCGCCTTTTTGGTGCCATATGCTCTCTGATTATATTTTGAAACTATTAAAGAA
GACCCAATTATTTTTATGCTATCTGAAGTTCCAAACCTCCCAACTCTTTTTGGTTCAAAGGAAGGGTGTGCGT
GCTTATAGGAGTTTTGTGTGTGCCTGAATCCTCTTATAGATATTTTTATGAAACAGGCTTTTTAATTTTAATT
TTTTTGGGGGGAGGAGAGAGGTGTTTACAAAAAGGGGGTTTTAAATTTGAAGAAGAAGGTTGTAGTAGAA
AAGACTTAAATTGTAAATGTGGTGATGATGTCTGTCTCAATGAGATGTACATGTTTGCTAAAGGGAGTAAGCT
CTCTTCTTCTAAACATTTTGGTCTTCTGTTGTTGGACTTTGAGAAAGCACTTCGTTTCAATCATTTTTAAATAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCC
GCCCCGCCCCCGAAAACTTATCAAAGCCCCCACCCCC

>trans_s_4353 NM_125261|Arabidopsis thaliana nuclear movement family protein (AT5G58740)
mRNA, complete cds

GGGAAAGGGGAGCAGCAAACCCTAAAGGGATGGCAGAGAAATTGGCTCCAGAAAAGCGCCATAGTTTCCTT
CACAACGGTCAGAAAGTGTGTTGAATGGGATCAGACACTGGAGGAGGTTAACATTTGTATTAATTTGCCTCCAA
ATGTTAATTCCAAGCAATTCTACTGCAAGATTCAATCTAGGCATGTCGAGGTTGGCATCAAGGGGAATCCTCCT
TATCTCAATCACGAGCTTACTTGCCCTGTGAAGACAGATTCTTCTTTCTGGACCTTAGAGGATGATATAATGCA
CATTACACTGCAGAAGAGGGACAAGGGTCAGACATGGGCTTCTCCAATACAGGGTCAAGGTCAACTTGATCC
TACTCCTCTGATCTTGAGCAGAAACGTCTTATGCTCCAGAGGTTTCAAGAGGAGAACCTGGATTGACTTCT
CACAAGCTCAGTTTTCGGGCAACTGTCCTGATCCAAGAACCTTCATGGGGGGAATTCGCCAAGTTTGACAAAT
CTAGTGTTGCATTTATAACTTGCATGGACGTGACATTTGGTAAATAATGTAGTTTTTGTACTGGTCTTGATTTAT
GCAAATCCTGTAATGACCGCGATTGTGAGAAGGATATGTACTGAGTCCTATCTCCGTATTGAAGTGAAAATAT
TTAGGTGATATAAATTTAACTACCAACATTCTGTCTTTTT

>trans_s_4354 NM_129283|Arabidopsis thaliana ATRPS5B (RIBOSOMAL PROTEIN 5B); structural
constituent of ribosome (ATRPS5B) mRNA, complete cds

AACTCATTCTCCGATTTTCAGGATTACCATCTTCTCCTCGACCTTCTCCGGAACAATGGCTGTTGAAGTTGATG
TGGTTAACCAGGAACTGACCCAGCCTCATCACGATGTGAAGCTGTTCAACCGGTGGACCTTTGACGATGTCCA
AGTGAATGACATCTCTCTGGTTGATTACATTGGTGTGACCTGCCAAGCATGCCACCTATGTCCCCACACTG
CCGGGAGGTACTCTGTCAAGCGCTTTCGAAAAGCTCAGTGCCCAATTGTTGAGAGGCTCACAAATCTCTGAT
GATGCATGGAAGAAACAACGGGAAGAAACTCATGGCTGTCAGGATTATTAAGCATGCAATGGAGATTATTCA
TCTTCTAACTGATCTCAACCAATTCAAGTCATTGTTGATGCGGTTGTTAACAGTGGACCACGTGAAGATGCCA
CTCGAATTGGCTCAGCTGGTGTGTTAGGCGTCAAGCTGTGGATATATCCCCTTTGCGACGTGTTAATCAGGC
AATCTATCTTCTTACAACAGGTGCTCGTGAGGCGCTTTCAGAAACATCAAAACAATTGCAGAATGCTTGCGC

GATGAACTTATTAATGCGGCAAAGGGATCATCTAACAGTTATGCAATCAAGAAAAAGGATGAGATTGAGAGA
GTTGCTAAGGCAAATCGTTGAGAGGTTATTGTTATGTGTT

>trans_s_4355 AF411856|Nicotiana tabacum transcriptional activator FHA1 (FHA1) mRNA,
complete cds

AAGAAATTGGATGGGTCGACGGTGGAGGAACAGCAAAAGCAAGAATATTGTTTCATCAATCTTAATTGGGGAC
TTCCATCTCCAATCCCTTCGCTCTTTTAATTTCAAGTCCTTCAATTTTCGATTCCAATTTCCAATTTCTGATGGGT
ACAGCGGGTAGTGATGTAGAAGCAGGGTTTGCCAAGCTTCAAGGTGAGGATTTTGAATACTATATGCAAACC
TACTCCATAATCCTCGGCCGGAATTCCAAGAAATCCACCGTTGACGTTGACCTCTCTAGCCTCGGCGGCGGCAT
GAACATATCTCGTCACCACGCTCGTATCTTCTACGATTTTACGCGCCGTCGATTGCCCCTCGAAGTTCTCGGCA
AAAATGGCTGTCTCGTTGAAGGGGTTCTTCATTTGCCTGGAAATACCCCGTTAAGCTCGATTCTCAAGATCTT
CTTCAGATTGGGGATAAGGAGTTCTATTTCTTTGCCGGTGAGGAACATTTTGGGTGGTTGCGTTGGCCCGA
GGAGCTATATGGGTCATCTGGATCGGTATCGGCGGGTCTACCGTTGCTGGGCCGGTGGTGCCGTCTCATTC
GCACTATAATTTTCATTTGTCTGGCTCTGGAGGGGCCGCTACTGCAGGGGCGATAGTGAAAAAGGGAGAGG
AAGAGAGTATTATGAAGAGGGATATGAGGATGAGGATG

>trans_s_4356 Novel Gene

GCATATGATGAATCTCATATCATCAAATGGGTAATTTGCGTCTGAATAATCATTGATGCTATTTTCACCTTGG
GAACTGATGCCTATTTAACAATTTTCATCTTCTTTGTTCTTAAAAATCTGTTTACCCAAAACTTTTCTCTTTGTT
TTGTTTTGATCCAATTTGTAGGTTTCAATCCCTTAGTTTTTGCTCCTGAGAACTCGACTCATTAAACATCGAAG
ATACAAGCAACCACATGGGCCTTTGATAGTCAGTTTATGAGACCATTGATTTTGGATGTCAAATTTTCTCTTGT
ACATCTAAAATTGGATACTTTAATATAAAACAATTATGAAAGGCTAATGGGCAGATGCCATAGTACCAATCACT
TAAATTCATACCAAGCTGTCATCAAGTAGTTCATTATCAAAAATGCAATAATATATACCCAGAATGTGGTAAAT
TATATCACAATTTGTTTTAGTATCTTAGCTTCAAAGTTAAATTTGCTGAGATAAAAAATAATTGAAAACAAGAAA
AAGATAACTACTTTTTTTCACCCAAATTTTTGTGTTTAAAAGTCTCCCTTTTTTTGTTTTTAATTTGATTGGGGC
CAAATTTAAACGTTTAAATTTAGAACAATTATTAATAANTAAATTTAACCTACAAAATGATATTTTCAACCTAA
ATTTGACCGACTCTCGGTGGAAAA

>trans_s_4357 HQ010041|Corylus heterophylla COR413-PM1 mRNA, complete cds

AGATCGGAGATGGTGAAACCCAACCACTTGAAAATGGTGACGGATTCTGACGCTGCCGATCTGATTTCTCTG
ATCTCCGAGAACTTGTTAACGCTGCTAGAAAGCTTGCTACACACGCTGTTAAGCTCGGTGCTTCGGGTTTTACT
GCTTCTTTTCTCCAATGGATTGCTTCTTTGCTGCTATTACTTGTTGATTTTGGATCGGACGAACTGGAAGACG
AATATCCTTACTTCATTGTTGATTCCGTACATTTTCTTAGTCTTCCCGTTTGATTTTCGGTTTTCTCAGGGGAG
AGTTTGAAAATGGGTTGCCGTTATTGCTGTTGTGCTCCGTCTCTTCTCCCGCGACGATTTCCAGATTGGCTT
GAACTGCCTGGAGCTTTGATACTTCTCATTGCCTCCACCGTACGAAACGACGCCATCGGAGAAGCAATCTGTCT
GATCATATCATGCTATTTACTGCAAGAACACATCAGAGCCTCTGGTGGATTCAGAACTCATTACAAAAGCG
AATGGCATCTCAAACACCATCGGCATCATCTTCTCTTCGTTTTCCCTGTCTGGGCGTTGGCACTCCGTGTTCTT
TGATTGGTTTTCTTTTTTCAAATGCAATTATGGATTATTGATACTTTGTATTGTTGGGAATGTGGGCTGTGA
GATTTGTGTCTTAACCTTTTTTTTTCTCT

>trans_s_4358 BT025302|Arabidopsis thaliana At5g57123 mRNA, complete cds

CCCCACCAAAAAAGAATCTCTCCTGAACTCAACTTTAAAAGGGTTGCTAATCTTTTACGTTCTTCTAGTT
CATGTTAAATACGCATGATCATACTTTTATGAGGACACCCAGAATTACAAACGATTTCTGCAGATAAAGAGATC
GTGGGGCAAACACTAAGTAGCTTATAATCATAAAAGAGAAACGTGGGAGAAGAAAGGCAAAAGATTTTCATG

CAATCAAGGTAAGTATATGAATATCTCTATTTCTCATACAGTATATATTTTACATCAAATTCACAGAACAAAGAT
AAAATTAGGTCAACCCTCCTCTCCAACTTCACAGATCATGGGAAAAAACAACAATTATATAAGTAACGGT
GTTTTTCCACTGCATAACGAGTTGCCTAGTGCACATAGTGAATAGAACTTGC GTTTGGTTTTCCAGTAAAGA
GGAACGAAACAGAACCTCCATTGGCTTTCAACGTCAGTGGCTTGATCATACTCCACAGAAGGGGGCATGCC
CTGGAGCTGGTTGCCTAGACAAAACCTTTGATCCTCATCGCACACGAACACCAAACACATCTTCTTCTCCT
TCTTAGGTTCTTGCTTTCTTCTTAAATTCTCTGGCTGAGGGATTCTTTTGCTAATTCGTTTGTCTGTTTTGTAA
TGGGTTTGAATGAATGAAAAGTCTGGTTTTT

>trans_s_4359 EF554359|Vitis vinifera L-galactose dehydrogenase (GDH) mRNA, complete cds

ATGTCGATATACTGCATTGCCATGATATTGAATTTGGACCTCTTGATCAGATTGTGAACGAGACGATTCTTGCA
CTTCAAAGCTAAAAGAAGCTGGGAAGACTCGTTTCCTTGGTATTACAGGATTACCGTTGGAAATATTTACGT
ATGTGCTTGATCGAGTACCACCTGGAACCATTTGATGTGATTCTTTCATATTGTCACCTACAGTATTAATGATTCAA
CATTGTTAAATTTACTACCTTACTTGAAGAGTAAGGGAGTTGGAATAATCAGTGCTTCTCCTCTAGCAATGGGC
CTTCTAACCGATCAAGGTCCCCAGAATGGCACCCAGCTTCACCGGAATTAAAGTCTGCATGTCAAGCTGCGG
CTGATCATTGTAGAAAGAAGGGAAGAAATATTACAAAGTTAGCCATCCAATACAGTCTGGTGAACAAAGATAT
TTCAACGGTGCTGGTTGGCATGAACTCTGTCAGACAGGTGGAGGAAAACGTAGCTGCTGCTGAAGAAGTTCG
CACATTTGGGAGGGATGAGGAACTCTGTCGGAGGTTGAAGCTATCCTTAACCCTGTCAAGAATCAGACATG
GCCAAGTGGAATCCAAAACAGCTGATATTTAAGTCGCTGCTGCTTGGTATGTGTAACATTTTTTTCTTTAATAA
AGAGTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4360 CP000585|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 5, complete sequence

ATCACAACAAAAATCTCACATCGCCCTTTCAAATTCTTCAACTTCTGTCAAATCAATTTCCCGAATGGCTCGCA
CCAAGCAAACCGCCAGAAAATCCACCGGAGGAAAGGCTCCGAGGAAGCAACTCGCCACCAAAGCCGCCAGG
AAGTCAGCTCCGGCTACCGGTGGAGTCAAGAAGCCACATCGCTTCCGTCTGGAACCGTCGCACTTCGTGAAA
TCAGGAAGTACCAGAAGAGCACTGAGCTTCTGATCCGGAAGCTTCCGTTTCAACGTTTGGTTCTGTGAAATTGC
TCAAGATTTCAAGACCGATCTGAGGTTCCAGAGCAGCGCCGTGGCGGCACTTCAGGAAGCGGCGGAGGCCTA
CTTGGTAGGTTTGTGTTGAAGACACAAATCTTTGTGCGATTATGCTAAGAGAGTTACGATTATGCCAAAGGAT
ATCCAATTGGCTAGGAGGATTAGAGGGGAAAGGGCTTAAAGTTGTGGATTAATTTACTTTGGTGGATCTTTTC
TAATCTTCTTTGAGTTCATTTGGTGTGTTAGGGCTTTAGATTGTTTCAGGTTGAATGTATATGGGAATCTTGAATC
TGCTTACTGAATGAATCACCATTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4361 NM_001049892|Oryza sativa Japonica Group Os01g0565600 (Os01g0565600)
mRNA, complete cds

TGATTATGCAAAACCGCTCAAAAAAATGGTGAACCTTCTTGCTTAAGATCAAAGCGGAGCTCGAGAACCTCACG
AATCTTCAGCCTCAAGATGGTTGCGACGACCCCACTTCACTTACCTTTCAAAGTGAAATGCGGGAGATGCG
GGGAGGTGAGCCAGAAAGAAACGTGTGTGACCTTGAGTGAACTATTCCTCTCCAAGCGGGTAAAGGGACTA
CTAATCTCGTTCAAAGTGCAAGTTCTGTGGTAGGGAAGGAATATCACAATGATTCGCGGGGAGGTAAACC
ATTGACTCAGGAAATAAGTGAGTCAGGGGATTTCTCTCCGTTGATGTTATTTGACTGCAGAGGTTATGAGCCT
ATCGGTTTTGTATTTGGACCTGGATGGAAAGTAGAATCTATAGAGGGGACTAAATTTGAGGATATTGACTTAA
ATGGAGGTGAGTTTGAGAGTATGATGAGAAGGGAGAATGCCCTGTAATGATTTCCAATCTAGATGCCAAAT
TTGAGTTGTTAAAGTAGGAGATAATTATACGCAATTATTATTATCTCCCACTGTAAAAGAAAAATTATCATA
TTTGAATGGCCCTCATCTATCTGTACTCTTCATCTTTCTGTTTCTTTTTTAAATAAGAATGAAGTTTGAGGAGT
TGGCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4362 XM_002310380|Populus trichocarpa glutaredoxin (PtrGrx2), mRNA

ATTCCAAACGACACCTGTA CTCTTTACAAATCTAAGATCATGCACCAAGCAATCCCTTACCGATCATGGCAATC
GATTGACACAAAACAAACCACATTAGCAATGAGACCACCATGGGCCGGCAGCGTCGGTGGATCAGCATCCAT
GCCGTCCGAGGGTGGAGGAAGGAGACGGGACGTGGTTGCGTCAGTGTGCGAGAGTGC GGCGATAGTGTTT
GCTAGAAGAGGATGCTGTATGAGCCATGTGGTAAAGCGTCTTCTATTAGGATTGGGGGCCAATCCGGCGGTG
TATGAAGTGGATGAAGAACATGAATCTGGAGTGCTTAAGGAATTGGAGGCTTTTGCTAAATCTTCTAATGTTA
ATTTGCAATTGCCGGCTGTGTTTATTGGAGGAACCTTGTTTGGGGGTTTGGATAGAGTCATGGCTACTCATATT
TCTGGGGATTGTTTCTATTTTGAACAGGCTGGAGCTTTGTGGCTTTAATTTTTCTTTTTCTTATATCAATC
CTCAATTTCTTTTTATTATTTTCTTTTATCAAACAGGGATGCTTTTGTGTTGCTATCAATTTTGTGTGCCA
TCTGTTTTCTGTTGTCAATGAGGGGATTCTTTTTTTCTTGTTAGAGTTCGTAAATGGAATCGTTAACTATTG
GCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4363 NM_001125183|Arabidopsis thaliana NADH-ubiquinone oxidoreductase-related
(AT3G18410) mRNA, complete cds

GGTTGCGCGAAAGCGATTTCGTAGACTGAGAACAGGCACAAGGAAGAGGAGAGAAAGAGGAAAAGCTATGG
GGAGGAAGAAGACAGTGGAGTTCGATGAATCTCCCCGGACGATTCGATCCGGAGAATCCGTATAAGGATC
CAGTGGCGATGTTAGAGATGAGGGAGTACATTGTAAGAGAGAAGTGGATCGATATTGAAAAAGCCAAGATA
CTGAGGGAAAAGCTCAGATGGTGCTACCGTATTGAAGGAGTCAACCATCTGCAGAAATGTCGTACCTCGTTC
AACAATACCTTGATTCCACTCGTGGCATCGGCTGGGGCAAGGACGGGCGTCACCCATCCCTTCACGGTCCTAA
AGTGGAGCCAGCCGAATCGGAGTGAATCGCTGGGTGGAACAACGGTGAGTTCAAATGTTTGCAAGTTTTGG
TTGATTTCAAGTTCCTCGTCTACTGAAAATCAAACCTTTTCTTTTTTGAAGCTTGAATAAATAACAGTGTATAT
CAGCTCTTTGTTTTATTCTGTACTGTTACAAGGTGTGAAAAGAATTATTAAGTCAAGTCAAGTGGTTAATAATT
CGTTTCTAACTCTCTGTAAGTGTGATAACTTTGTAGCAATGCCTGCAAGATTCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4364 XM_002872190|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At5g26800, mRNA

TCTCCCTCTCAACCTTTGTTACTCGCCGGAACGCCCCACCTCTTATCTGTTGCATCCTAACGCTCTCTTTGCC
GCCGTCCCTTCAACTCTTGTTCACTCGCCATTTAGCAAGAAGGATGGCATGGAGGAATATTATTTCAACCATA
GGTCTATACTGCAACCATACTCAGCTTCTTTATTTGCTAGATTCTTTCTAAATCTAGCCCATATATCGTGAAGG
TCGGGATACCAGAGTTTTTAAATGGTATTGGGCATGGAGTTGAATCACATGTGGCTAACTTGAATCAGAGAT
CGGCGACTTCCAGAAGCTGCTTGTTACTCGCACACTTAAGCTGAAAAAAGTTGGAATCCATGCAACATAGG
AAGCTGATATTGAAGTACACCCACAAGTACAGACTTGGACTATGGAGGCCTCGATTTGATTCCTGAAGTCCT
GATGGTTTTAACTATGTTTACTAGGCGATGGAATCGTTTTCTTTAGAAATAACTATGCGATGGAGTCGTTTGG
TGATCTTCAGTTTGTAAGACTTCGAGGGACAGTATTTCACTTAAATCTAAAGCGTATCTTTATTTTTTTGGC
TTTTGAATTGTTTTATTCTGTTTACAACTATATAGCTATTCAGTTCCTTTAAGACATGCATGAATCTTAAACCCT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4365 NM_100193|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family
protein (AT1G03110) mRNA, complete cds

CTCTCTCGGTAGTCAAGGTGGTTTCTATAAGTGAGGAGACATTCATTCCTACTAGCCTATCGACCAGTTGCTCG
ACTGGGTATCTATGGATGGTAACGGGTGTATCCAGTTTGCACAATTTGGGGCACTCCTCTCTAGCCCGTGTTA
AGGTCATGAGTGGTTTCAACAAGGACAATTACACTGCAAATGACGTATCTGTAGTAGAAGATGATGCAATACC
TGGGGAAACAAAGCTACTCGAAAAATTGCAGGGAGGTGTAACATTCGACGATAAAGTGTTCTTGGCAGCTGC

>trans_s_4366 NM_125304|Arabidopsis thaliana SKP1 family protein (AT5G59140) mRNA,
complete cds

>trans_s_4367 NM_203252|Arabidopsis thaliana SRO5 (SIMILAR TO RCD ONE 5); NAD+ ADP-ribosyltransferase (SRO5) mRNA, complete cds

>trans_s_4368 NM_102753|Arabidopsis thaliana JAZ8 (JASMONATE-ZIM-DOMAIN PROTEIN 8)
(JAZ8) mRNA, complete cds

ATTGAATTTATGTTTAAACATTTAATCTCTTCTTCTTCACCGCCATTTCTCCCCCTCTCCAATGGAGCACTTCCCCA
ACTTCAACTTGGAACTTTGTCTCTCTCCTCTCTCTCTCTCTCTTCCACCACCACCACCACCTACCGCTGCCGC
CGCCTCCAATTCATCTTCACAACACAACCATATCACTCCCATCGGTGTCCCCACGCCTGATCTTACCGAGATCCA
GGCAAAGGCAATAATAGTAGAAGCCACGAGACAAATGGAGGCCGAGAGAAGATGGACGACATGTCGGATTA
GTTTCATCAGCAGAGAGAGTATGGATGAGGAGCGGGGAAGCTAGCCCCCTCCATGAGGAGATCATTGCAGAGG
TTTTTACAAAAGAGAAAGCTTCGCATTCAAACACTTTCACCCACACTCACTAACTTCCAAATTTTGAATAAT
CGTGGCTTCTTCATAATTCTCTCTTCCCTTTTGTCATTTTTCTTCTTTAGCTTTTAGGAGCTATAAGTTTGTGTTTG
GATTGTATTTGTACATACTTGGAGCTTATTAATTTTCCAATACATTACCTACTTACATTTCTCAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAATATACTAAAATAGTCTGATGCTCGTAGATTTAAATAAACTCCATCTCTAAAGTTAACAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4369 Novel Gene

CAAAAACCAAGTGATCAACCCATAGAATTAAGCAAATTAACCTTTTAAATTTAAGATCATGTCGTCGGACTTT
GGAGAACATGTAGGAGAACATGCAGGTAGGACGTACCAGTTCGGCTCGGGAGGAGCCTTCAGAGCCATTAAT
AACTGTGCAACTGACAAAGTTGTAGTACAAATTGCCACATGGACGTTGACTGTGATTGCGGCAAAGCATCAGA
TTGAGCTCAAGCTTAGGCTTGTGGTGAGTGCTGCTATTGCATTGTTTACAAAGGGCAAACCTCTATCGACTTACA
ATTCAGGCTGATGCTAAAACCAATTCTGGTTGGGTTGTTACACATATGATGTTGAGGTTTGGCTCCCTCTTGT
TGGTCTTGGGAAGTTAGATCTCACAAGCTTTCCAATTAACAACCTTAATCACGAACATCACCATGTTTTGATTG
GCTTTCTGAGTAAGTTTATTTAAATAAGTGTTTATATGTAAAAAACAAAAAAAAAAAAACAAAAAACAAAAG
TGTTTGTAACCTCTATTTAGAAAGTCAATACAAACAGTCACTAGATCCGAGTACTACTATCTTTTTCTACTT
AATCATCTTCATCTATATCTATCCTTGCTTTTCTACTTCTCAATCAATAAATACTTTTCTTTTATGTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4370 NM_116702|Arabidopsis thaliana ATPC1; enzyme regulator (ATPC1) mRNA,
complete cds

TGATGATGTTTTTCACTCTTTGTTAGTGAGGAAGTTGATAAAGTAGAGCTTTTGTATACAAAATTCGTGTCATT
GGTAAAATCTGATCCTGTAATTCATACTCTTCTTCTCTATCACAAAGGGTGAGATCTGTGATATAAATGGAG
TCTGTGTAGACGCTGCAGAAGATGAGTTTTTCAGGTTGACAACAAAGGAAGGGAAATTGACAGTAGAAAGG
GATTCAGTGAGGACAAGCACATCAGATTTTTCACCAATTTTGGAGTTTGAGCAAGACCCAGTTCAGATCTTGG
ATGCTTTATTGCCTTTGTATTGAACAGCCAGATTTTGAGGGCATTGCAAGAGTCATTGGCTAGTGAACCTTGCT
GCTAGAATGAGTGCTATGAGTAATGCAACCGATAATGCTCCGAGCTGAAGAGAACTGTCTATTGTGTATA
ATAGACAGCGCCAAGCTAAGATTACTGGAGAAATCTTGAGATTGTTGCTGGTGCTAATGCCTTGACTTAATT
TGATGTTTGTGTATATCTCTCCCTTGTTGCTTGTTTTTCCCCCTTCTTTCCTTTACATACTTCAACCGGCCAT
GTCTCTATATTCAATCATATCATTCAAATTATGCCATTTCTATAGAATATATACAAATTGTAAGTCTTCTCCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4371 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

CGAAACTCAAAAGGCGGTACGCGGGGCCCGCACAAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAAATATAA
GAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGGAACGCGGACACAGGTGGT
GCATGGCTGTCGTGAGCTCGTGCCGTAAGGTGTTGGGTTGGACTTTACAACGAGCGAAACCTCGTTTTGTGT
TGCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGCAACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCG
CGACTAATTGAGTGCCACGTGCATCTGGTGCTGTCAGTCAGAAAGGGAGCCTTATCCTTTGAAGGAAGCACTT
TCGAGTGTGCGCTCTATAGCGCGCTTTACTAAATCGGCATTGAGGCGAGCCACCCGGTGGTGTGGTACGAAGT
GGGTTTAGTACGCCCTGCCAAACGGGTCCTCACTATAGTGAAAGGTGCGTGCCGCACTCACGAGGGACTGC
CAGTGAGATACTGGAGGAAGGTGGGGATGACGTCAAGTCCGCATGGCCCTTATGGGCTGGGCCACACACGT
GCTACAATGGCAATGACAATGGGAAGCAAGGCTGTAAGGCGGAGCGAATCCGGAAAGATTGCCTCAGTTCCG
GATTGTTCTCTGCAACTCGGGAAACGTCTCATCAGGCCCGCATAGA

>trans_s_4372 EF688574|Gossypium hirsutum phosphatidylserine decarboxylase 2 mRNA, partial
cds

CAAGTATTGCAATGTCTTCACAGAGAACAAGCGTTCAGTAGCTATAATTTCAACATCCGATTTTGGCAAGGTTG
CTTTTGTGCAATTGGAGCTACCATGGTTGGCAGCATAACCTTCAAAAAGGGGAAGGGAGATAATGTAAAGA

AAGGAGAAGAGTTTGGGTATTTCTCTTTCGGTGGAAAGTACTGTAATTTGTGTCTTTGAAAAGGATTCGATCCA
ATTAGATGAGGACCTGTTAGCAAATAGTTCCAGATCACTTGAAACGTTGGTTCGCGTCGGGACTAAGCTTGGT
CTTTCTACCAGAAGAGTTTCTCAAACCGATTTTCCAGATGTAAGTCGTTGTGCCATAGACGACCAAAAATGAGC
TCAATTGTGTATGTCTCGTTTTCTACTCTGTTCATAGTTGTCTTAATGTTTTTGTGAATCTTGCAATTCATCTATT
TACTATGATCTGTCACTGTCCCACGGTGGAGGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAAAAACACTGATCGAT
TTTGTGGATATCAATAAACTAACGAGTGTATGTATAACAATTGTGTTGTAAGTTGTGCCAATCATGAGTTTGT
ATTTCTACTTTTTAGGTCTTGAGAAGGGTTATTAACCTATTTTCTGTTTCATATTTATGAATATTTTCTTGTTTCAT
TTATACAACGAATTCAATATTTTTTTAGC

>trans_s_4373 AB080739|Eustoma grandiflorum EgSPY mRNA for SPINDLY, complete cds

ATCCTTGGTTTGGAGTCCACATATCGTAAAATGTGGCATAGGTACTGTAAAGGAGATGTGCCATCATTGAGGC
GCATGGAAAGTGTACAAGAGCGAGAACTTATAGAAGAGACGATTACAACAACGGAATCAAACATTACTGCCT
TGAAGGAGAGCCCCGCATCTACCCAATCCAATGGACACTGTCCTGTTTCCTCCGACGTCCTCGATCATTCCCT
TGTGGAGAAAATGGCGATCCATTGCCTCAACCAAAAAACCAGGAAAGCTCAATTGAAACATGAATTAGCAAT
TGTGGAGTTCTTTACAACTCTACAGGAGGAGGCAAACCAAGTGTGTTGTTTAGGTAATGGTAACATTGGTCA
AGAATTCCAGCATCACTGAGGTTCCAAATGGTCAATATCTTCACTTTTGCCTGGAGAAAAATAGAGATTGGT
AACTTACTGCTAGAATTTCTGCTAGAAATAGTTGTACTGCATTTTTTCGCCACCGAATCATAGAAAATTAGGT
GTCATTTGTATATCGTAGAGGGTTTTCTTTCTTAGCAATGGGTGCTGTGAAAATGTCTAATGGCTTGTGAGA
GGAAGTGTCTGGTTGGGAACATTATAGAGTGTCTATTAACCTTCCTTGTGCTGTTATTGGAGATGCATTTTC
CATGGAAGAAAGAAATTAATGAGTTAAAAA

>trans_s_4374 NM_116542|Arabidopsis thaliana kelch repeat-containing serine/threonine
phosphoesterase family protein (BSL1) mRNA, complete cds

AGCTGATGTTGATTGCATCCAAGAGCTGTTGTAGTAGCTAAAGAAGCTATTGGTAACCTTGGTGGGATGGTG
AGGCAATTGTCTTTGGATCAATTTGAAAACGAGAGTAGAAGAATGATTCCTTCAAACGACTTGTGCATATCCAA
CCAAGAAGTTCACCCGGCAGAAATCTCCTCAGGGCTTGCATAAGAAGGTCATTTCAATGTTACTTAGACCTCG
GAATTGGAAAGCCCCTGCCAATCGAAGGTTTTCTAGATTCTATGAAGTGGGTGAACCTTGTATGCTGCTG
AACAGATCTTTATGCATGAACAAACAGTTCTACAGCTTAAAGCTCCGGTTAAAGTATTTGGCGATCTTCATGGA
CAGTTTGGTGATTTGATGAGGCTTTTGTATGAGTATGGATTTCCCTCCACAGCTGGAGACATAACGTATATTGA
TTACTTGTGTTTTGGGAGATTATGTTGACCGAGGACAGCACAGCTTGGAACTATAACTTTACTTCTCGCTCTCA
AGATTGAATACCCCGATAATGTTCACTTAATACGTGGGAACCATGAGGCTGCAGATATTAATGCATTATTCGG
TTTTCGTCTTGAATGCATAGAGAGAATGGGAGAGAGTGATGGAATTTGGGCGTGGACACGGTTCAATCAACT
ATTCAACTACCTTCCTTGTGCTGCGTCGATTGAAA

>trans_s_4375 AB008846|Cucumis sativus Csf-1 mRNA, partial cds

AGTTTCGATTGCGACTGTATAGTCTTCTTCTCTCGCCCCTCTCTGAAACCCTTCACACTCCAACATGCCAT
TCAAGAGGTTTCGTTGAGATCGGGAGGGTCGCTCTCGTCAACTATGGCGAAGACTACGGAAAGCTTGTGCTCA
TTGTCGATGTTATTGACCAGAACAGAGCTTTGGTGGATGCTCCTGATATGGTCAGGTCCCAAATGAACTTAA
GAGACTTTCTCTTACTGACATTAATAATTGACATTAAGAGAGTCCCTCGGAAGAAGGAACCTATTGAAGCTATG
AAGGCTGGTGATGTTCAAAAAAGTGGGAGGATAGCTCTTGGGGTAGAAAATTGCTTGTCAAGAAAAGGAG
GGCAGCCCTGAATGATTTTGATAGGTTCAAGCTAATGTTGGCCAAGATAAAGAGAGCTGGATTGGTCAGGCA
AGAGCTTTGAAAGCTGAAAAAGAGCCAGTCTTAGAAAGTGATTTTGTGTTAGAGCTTCAAATTTGTTAGAGA
ACAATTTATCAGGTGTGGTTTGTATCCCTTTGTTTCTCAAATCCTTGAGACTGGGGAGTGTATCTGAAATGC

ATGGAATTTTGGACATCAAGTGTAGTGAGTTTTTCCCAATGTGCCAACATTAATATAATTTAATTAATAATAGAA
TGTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4376 GU339492|Cucumis sativus RAB GTPase activator-like mRNA, partial sequence

GCCCTGGAATATGATCCTGATCTATGCACATTGTATGAAGAACCTGATTGGGCAATGAGAAAGGAGAGGGA
TCAAAAGGAAAAGCAAAATCGATACGCCAATGTGGGAAATATGAGAGGGAGAACTTGAAAGCAAAGAACTC
ACAAGCTCCTCTTCCCATCTCTGTTTTCTTGCTAGTGTCTTGAAAGATAAGAGCACAAAGCTACTCACAGA
AGCTCGAGGTCTAGACGATGTTGTGAAGATATTGAATGACATGACTGGAAACCTGGATGCCAAAAAGCTTG
CACTGGGGCAATGAAGCTTCACAAGAAATATCTAAAAAGGCCAAGAAGGCATAGCACTAGAGAAACCTGAA
ATTATATTTTTCTGATCATTGAGTGGATCGGGCAAGAGATTGTCATATATTTCTGCACAAACCGGTGGCCAG
AATTTGTGGATCTATCCAAGTTTTCTGACCAGCTATACATTCCCACATATCAAATTTGTTGTATGTAAAAATAAT
TTGTTCATTTTCTCTTTTTTTTTTTTATCCTTTTTTGATACTACAAAAAGAAAAAACAGTGAAAAGAATAT
ATTCGTGATAACCATCTGATTCTTTGTAACAACCTTTATGCATACAGAAGTAAATATCATTTGTATAAACGTTC
ATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4377 NM_118595|Arabidopsis thaliana PGI1 (PHOSPHOGLUCOSE ISOMERASE 1); glucose-
6-phosphate isomerase (PGI1) mRNA, complete cds

CCAACATTTGTAATCAACCCATCTTCACAATCAACTCCTTCATCTCTTCCATGGCTTCCATTTCCGGCATTGT
CTTCTTCTCCGTCTTTGAAACCTCAAACCAAGACCCTTTTTCTTGGACCTACTGGGTCACTACGCAAAGATTCAA
TCTCGTTTCCGGTTCGTGCCAAGCTCAATGACGGTAGATTGGGTTCTGGTACTGCTCACTCAGTTGCTAAAGAG
ATCTCAGTTGAATTGTCAGCTGCTGATGGAGGTTTTAACAAGGGGAAGAAGAAGGGTTTAGAGAAAGATCCT
CGTGCACTTTGGAGTAGATACGTTGACTGGCTTTATCAGCATAAGGAACCTGGGTTGTTTTGGATGTAAGTC
GGATTGGGTTCTCGGATGAGTTTCTAGCGGAGATGGAGCCTCGGTTTCAAAGGCGTTCAAGGATATGGAGG
CGCTTGAGAAAGGTGCGATTGCTAATCCAGATGAGAAACGGATGGTTGGGCATTATTGGTTGAGGAACTCTG
AGCTTGACCTAACTCGTTTTTGAAGTCGAGATTAATAATACTCTTGATGCTGTGTGTAAATTCGACAGACGAT
ATCATCAGTGGTAAGATTAAGCCCCATCTTCTCCCAAGGGCCGTTTTACCCAGATACTTTCTGTTGGGATAGG
TGGATCAGCTCTTGGCCCGCAGTTTGTGGCTG

>trans_s_4378 AY058074|Arabidopsis thaliana AT5g12010/F14F18_180 mRNA, complete cds

ATTCTCACTTCCATCTTCTCTTTTACATTTGCTCAACACAAAATTATCCATTCATACCCACTTCCATTTATGGAA
ATCTCCTCTTTCCCATTTCTTAATCAAGTAGAATTCTTACCTATCTTCAATCTCTTCTCCGATATGGATAATAATC
CCACCACTCCTTTCAATGTGAAATGAGGAAGGGGAAATTCGATCCGGAGCTGAAATTTGAGGTTTATGATGAT
GAAATGTTGCCGGAACAATGGGTTGAGATCGGTGAGTGCGATTCAAGCTAGAGATCATATTGCTCACAAT
CTTCTTCACCATGGAATTGCTGGGACAGGGTTTCTTTGATGAGATTGAATTTGATGAAGAATGAAGAATCTAC
ACATAAATATTGTATTTATATTTACAATTTTTTGTTCAAAAAACTAATAAAAGAAAGATTAATATTTGTTTAT
TTGGAATTATACTTGTAATTTGGAGGGAAGATTTGGTAGTTTTTAGGTAATTTAGGGAGTTAGTAGTAGTTTA
GTGTAGTGGAAGTGTTTTACATCTTGAATCAAGAGACAAAGGGATGTAATGAAACAATGTCCCTCTTTTTT
AATCTCTTTTAAATGGAAGATTAGAAGATTGTTTTCTTTATCATTGGAAGTTGGATTTTGTTTTGTTCATGTG
TGTTTGAAACACCCACAACACACC

>trans_s_4379 XM_002879675|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosome biogenesis regulatory
protein family protein, mRNA

GAAAGAAAGCCTGAGGTTTTAGGGTTTCCAATTTATTATAGAGAACCTCTGTCGTCGGCAACCTAGGTGGTC
GGAGCATGGAGATCGAAAATCAGCATCCGTTCCAGATTGACCTTGGTCATCTAATGGCATTCAATCCTCACCAT

CAGTTTCCTTCAATTCCCCCTCCAGGGAGGAACTAATCAGTGAATGCCTGCAAAAGGGAACAGAGTTAGTTC
AATCTATTGCCAATGATCTTTTCAACCTGCCTTCAACTGAAGACAGAGACGGCCCCCTTGTGAGGTTGCCTCCA
CCTACTACGAGATTGCCGAGAGAGAAACCCCTTCCAAAGCCGAAACCTCCTACAAAATGGGAACTTTTTGCCC
AAAAAAAAAAGGCATAAAAAAACGTAAAAAAGATAAGAGAGTGTATGATGAACAGATGCATACATGGAAAC
GTCGCCATGGTTATGATCGTGCAAATGACGAGGATAACATTCCCATAATTGAGGCCAAGATGACTGATGAGTC
TGGGGAGGATCCATTTGCTGCAAGGCGAGCTGATAAGAAAAAACGAGTTGAAAAGCAAGAAAAGAATCGAT
TACAAAATCTGAAGCAAGCTGCAAAAGTTGGCGCTCTACCTAGCCACATCCAAGTCTGCTGACCGCTTTGCCT
ATAACGGGGACTCAGGCTGCACCTAAGAAAATCACTA

>trans_s_4380 X62343|N.tabacum CAD14 mRNA for cinnamyl alcohol dehydrogenase

AGAGTGGGCTAAGAGGCGGAATTTGGGACTGGGCGGCGTTGGACATATGGGTGTGAAAGTGCCAAAGGCT
TTGGGCCATCACGTGACGGTGATAAGCTCGTCGGAGAAGAAAAGAGAGGAGGCTCTGGAACATCTTGGTGC
CGACGATTACTTGGTCAGCTCCGACAAGGCTCAAATGGACCGAGCCATTGACTCACTCGATTACATTATCGAC
ACCGTCCCTGTTTTTCATCCGCTCGAGCCATATCTCTACTGCTAAACTCGACGAAAATTGATCTTGATGGG
TGTCATTAATACTCCATTACAATTTGTTTCCCCTCTCCTTATGATCGGGAGGAAGACGATTACAGGGAGCTTCA
TCGGAAGTATGAGAGAGACGCAAGAAGTATTGGATTTCTTTAAAGAGAAGGAAGTACCTCAATGATTGAAG
TGATAAAGGTTGATTATATAACAAGGCTTTTCGAGAGGTGGGAGAAGAACGATGTTAGATACAGGTTCTGTG
TGGACGTTGCTGGTAGTAAGATGCCTGAGTGAAAGTGATGGGCAGGGGAGAATGTGGAGGGAAAAGAGAG
GAGAGTTATAATGTGTTTTGGGTGGTTGATGAAATTATGAATGATCTTTGTACTATGAAACTTGGATGAACAT
GTTGGGTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4381 XM_002882069|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription factor/ transcription
regulator, mRNA

AATACACAAGCAATCCATCTCTTTCTCTCTCTCTCTTCATATTAGGAAGCAAAGTATCCACGCAAAAATGA
GGTCTATTCACTCATTCCGATCAAGAAGACAGGCTACCACCATTTCCAACTCAAACCATCAAGGAGAAGAAG
GTTAAAGCTTCTTCACCTCACAAAACACACCTCCTCCTCCCCGTCTCCACCACTGCCAACCGAACAACCTCCATC
TGCTGCCATGCACAAGAGGCTGAGAAATCTTCAGAGGCTGGTCCCTGGCCACACCCATGAAACCAACCTCAAC
CACTTGTTTCAAAGAACTGCTGATTACATCCATGCTTTACAACCTAAGCTCAACATTCTCAAAGATCTCACCTCT
TTCTATGGCCTTTGAATCATATCGTTTTCTATTATTATTAGTAGGCTAAGTTATAACAAATAGTCTTCAATTTTC
TTCTTTGTTTCAAATATCTCCATACTTTCAAGAGCTGCAATATTATCCTTAACTATCCTAAACAATTACAAA
ACTATTCTTGAGAGTATAATATTTTATTTTAGAAATTTCCGATAGAGAATTGAATGTTTAGAAAACCTACATGCG
ATAATGACTTAAACGATGTAGTGACGCAAACTTTGTTCTTTATTCATTATGTCACTTGCTACCCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4382 HM749061|Gossypium hirsutum cultivar Coker 312 xyloglucan
endotransglucosylase/hydrolase (XTH2) mRNA, complete cds

ATAGCCATGTGAAGGAACTCGATGGTGGGAGGGGAATTCAACTTCTTCTCGATCGAAGCTCTGGATGTGGAT
TTGCTTCTAAGAGGCAGTATTTGTTTGAAAAGTGAGCATGAAGATAAACTAGTTCCTGGTGACTCGGCGGG
AACGGTTACTGCATTTTATGAACTCAGACACAGACACAATACGCGATGAATTAGACTTTGAGTTTTTGGGA
AATAGGAGTGGACAACCATATACGGTTCAAACCTAATATATATGCTCATGGAAAGGGTGATAGAGAGCAAAGG
GTGAACTTGTGGTTCGACCTGCAGCTGATTTCCACACTTATTCAATTAGGTGGACCCATTCGCTAATTGTATTT
GGTGTGGATGATATCCCAATAAGGGTATATAAGAACCAGGAAGCCAAAGGGATCCCATATCCAAAACAACAA
CCAATGGGAATATATTCAACACTATGGGAAGCCGATGACTGGGCCACAAGAGGTGGTTTGGAGAAGATTGAT
TGGAACAAAGCCCCATTCTATGCTTATTACAAGGACTTTGACATTGAGGGTTGCCCTGTCCCAGGCCCCGCAA

ACTGCCCTTCAAACCCCAACAATTGGTGGGAAGCCCCGTCCTACCAGTCCCTCTCTCCTTTGGAAGCCAGAAAC
TATAGATGGGTTTCGTATGAACCACATGATATATGAC

>trans_s_4383 NM_117426|Arabidopsis thaliana SMAP1 (SMALL ACIDIC PROTEIN 1) (SMAP1)
mRNA, complete cds

TTTTTTTAATATTTAGGTTACTTTATCAAGGTTTCTTCTCAAATTCCTTCGGCCAAGTTACAAATTCAAACAA
GTCTATTTGGTTTCCATTGTTTCATTGGTTGCCACGGAGATGAGATCTTCACCGATGGAGTTCTTTGCGGAGCT
GGAAGAACAGGGATCCACGGTCGCCATGGACGTCGACGATGTAGACCCACTTGAGATATTGGGCGAGGGTG
TGATCTCCGCCGAGAACAAGCTCGCCGACGCCGATTTCTTCAACTCCTTCGAGGATGATTTTGATGACTCTGAC
GTCAACTGAGATTCTTTTTCTGGTTTCCTTCAAACAAGTAGTTAATTTCCAATTCTATGTTCTTACTTCTCTT
GATCAAACAAAGTTGATAGATCCTACCATGCCCTAGTTTGTTTCAGTCTTTAGGGATTTCACTGGTTTGCTTGG
TGATAAGTTGAATACTTTAACATGTTTTACTTTCTGAATTACTTGATTGGTTATCCCATAGTTTCTTTCTCTCA
AGCGTGGTGGTTAGCCTTGTAATTGTCATTAGTTGCAACGAAAAAGGGGAATGTGTTTATATATAACAGAAAA
TGTGAGAACTGTGTACTTTGTTGCCACATAATTTAGAGTGATTTTGAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4384 AF334840|Castanea sativa ribosomal protein L33 mRNA, complete cds

CTCATCGGCCGTCAAACACTCCATAGCTGAAGCAGAAACCCGCCGAAGATGGTGAAGGGAAGGCAAGGAGA
GAGAGTCAGACTCTACACCAGAGGAACAATTCTCGGCTACAAGAGGTGCAAGTCGAACCAGTACCCAAACAC
TTCTTTACTCCAGATCGAGGGTGTTAATTCTAAGGATGAGGTTTCTTGGTACCAAGGGAACGATTGGCATAT
ATTTACAAGGCTAAAGTGAAGAAGAATGGTTCCTATTATCGTTGCATTTGGGGCAAAGTAGCAAGACCTCATG
GTAACAGTGGTATCGTTAGAGCGAAGTTCAAGTCTAATCTCCACCAAAAATCCATGGGTGACAGGGTCAGAGT
ATTCATGTACCCAGCAACATTTGAGCCTGGAGAACGGGATTGAAACAAGTGTCGCTACATGATGGGATTTA
TATTTTATTATATTTCTGTGAGCTAAGATAGAAGCATTTTATGTTTTCTGAACTGAATCAATTTTGTCTTTAG
GTAATGTTTAACCCCGAGTAGTTAAAGCAGAATTATAGAACCATTTGTCTCGAGGATTGTCATGTGTTTTAGC
GAATTGCACTTCTATCAAGTGTTTTCGTATTAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTATTATGAA
GTTAAGACTATAATTCTTACCAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4385 NM_118229|Arabidopsis thaliana cytochrome-c oxidase/ electron carrier
(AT4G21105) mRNA, complete cds

AAAAATAAAGAAATAGGCCGATACCGTGTTCTTACTTCTTCCCCTCCGCATCGCAAAGGCAGTCATCGTCTATT
ATTCGCCCCCATCAGCGGCAGCCTTCGGAACAACGATTTCTCGCTCTCCTCAGACCTTCTAATTCACGATGACT
GAAGCCATTGAACAACCATTTAGGCCTCGTGAAAACTTATTGAAAGGCAAAGTATTTTCAGAGCATTCTATA
AGCACACATATCTCAAAGGCCCATTTGGATAAGGTCACTTCTGTTGCCATTCCAATCGCTTTGGCAGCTTCATCG
TTGTATCTTATTGGACGGGGGATCTATAACATGTCACATGGAATTGGGAAGAAAGAATGAGGTCATAGTCTCT
TTGCATGTTAATTTGAAAGAGTTTTATGCTCTGGATCCATGTTAATTTGTTATTGAAGTAATCTCTGCCTAATA
ATTGCTTAGTTGCAGACTCGACTACCAATTGATTGAAATATCATTTTCAGATTCTTTGTTGTGTGTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAATTTTCTCTTTTTTGTGAAATTGCTGGTTGAGTTTGGTTTCCTAAGATTCTTAA
GTTGTGACGCCAATGTATATTGAGATTCTGGAAGCCCCATGGTCGTGAAATAAGAAAGTGAGGATTAGCAAC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4386 Novel Gene

AGATCATCAAAAAGGCATGGCGACGGAGAGTATCCGCCAAAGCTGAGGGAAGATGATAAAAGAAGGGAAA
GAGATATATCAGTAAGACATCGCTCAGAATCACATAGGAGGGGAAATCCAGATGAGAAGAGAGATTATTGGT

CCTCTCAGGGTGGTAGAGATTCTTCATCACATTCTCATAGAGAAAGAAATGAGGACTGTCATAGATAAAATGA
ACGACTACACAACATACCATCATGGTTAGTCCTCTCGTGCTAAGTTCCAACATTATAGTAGAACATAATTTGGT
TTTGTGATGGCCTGTTTTGTTTCCTTGATTGTATTGGCAACCTTTTTTGGCCACTCACTATTTGTACTATCAAA
ATAGGTAGTAACTCTTGATGCGGAAATCTCTGAGTAGAAAAGGTAAAGTACATGCTTAGGAGAATAAAATAT
AGGAATTAATTTTCTACAAGTTTCCTTGACGCTCAAATGTTGTAGGTCAGGTGGGTTGTCCCAATAGATTAGCT
GAGATGCGTGTAAGCTAGCATTTTATGAATATTAGAAAAAGAAGAAAAAAGGTTTATGCTTTGTGAGTGAT
GGTGGAGGATTGTATATTGATCATTTGAATATTCTAATTTCTTCTTATCCAATTGGTATAACCATTCAAGTTGC
AATTAAATGTTGGTGGTAATCTTTTGGTTTCA

>trans_s_4387 NM_001084592|Arabidopsis thaliana SEC61 BETA; protein transporter (SEC61 BETA)
mRNA, complete cds

AAATAGAAGAAACGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGTATAGATTAGCATTCCCTTCTGAATTCCAATTC
CATCTCCCCATTCCAAACAACAACACTCTTCTCGATTTTGTCTCAGAATGGCTTTAGGTGGAGGTCCCCAGAGA
GGAAGTGCGGCAGCTACTGCCAGCATGCGCAGGAGAAGAACAACAAGTTCTGGTACATCTGGAGGTGCAGC
TGGAACAATGCTGCAGTTTTACACGGATGATGCTCCTGGACTCAAGATATCCCCCAATGTTGTTCTCGTCATGA
GCATTGGTTTTATTGCTTTTGTGCGGTTCTCCATGTTATGGGTAAGCTGTACTTCGTGCGAAGAGAAGCCTAG
AGGGTTTTCCCTGATAAAAGTGTGATGCATATTTAAATTCATTGTGGCAAAAGTTTAATTTTGAAGTGAAGTCT
TCGTTTGTCAATTACAGTCAAACTAATTTGATTTTGTACTAGTTAGAATGAAAGAGCTTTTCTGTTCTCTAAA
TTTTGCTTTTTCCGTTTGTGATTATTCTTATGCTGCACATTAAAGCCCTACTGCAATTTATAACAATGACAACCG
CCGGAGTGTAGAATCAGATTTGTTGTGGAAATGACAGTCAATTTCCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4388 XM_002882669|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata LOB domain family protein, mRNA

ACAACATTATTTTATTTTGGCATAATGAATGAAGAGCAAGAATGAGAGGTTGGCATGAGACTCGTTCCTTCATC
TTCTTGTCAGCTTGCAAATTGTTGAAAAGAAGATGTATTCCACTTGATTTTTGCTCCTTATTTTAGGTCTGA
TGAGCCAAAGAAATTTGCCAAAGTTCATAAGGTTTTTGGGGCAAGTAATGTTAGTAAGATTTTACTGAAGTT
CCTGAAGAACAGAGAGAAGATACTGTTAATCTTTGGCTTATGAAGCTGAAGCCAGGCTTAGAGATCCTGTTT
ACGGCTGCATTGGTGCTATAGCTTTGTTGCAGACTAAAATGGTGGAGCTTCAACATGATCTTGCTCTTGCTAAA
GCCCCGTCTCGCTCGTTACGCTCATAATAATACTTCCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTGTGCAGAAAATTGTGTTG
TTAATATGTCTTATGGTGGATTGAGTTTCTCTGCTGAGCAGAGTCTTCTGATGATATCACCCAATATGGTTATT
CATGTGATTTACCCATTTTCTTATCCATTTAAAGCTTGAACTCTGTGATCTCTCTCTCTCTGTCTCTATCAT
CAAGGTTTCTTGAAAGATTTTCTTTCTGTTTATGTATAATCAATCATCTGTTTATTCCCAGCTAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4389 NM_001069068|Oryza sativa Japonica Group Os08g0564800 (Os08g0564800)
mRNA, complete cds

AGCTAAATCGTCTACAAGCCTTCGATCATCATTTTCACTCTGAAATCTCCTTGGTTTCTCCAATTTCTCTGAATTC
CACTCCTTTCCTGATCCATTGCCAATCGCCCTCTTACCTTTGAATGGATACAAATAATTGTAGACCTACTCAA
GGTGGAATTGAGGATGGGGACTGGAGGCTTCAATTGCACCCCAATTGTCGATCATGGATTGTCGAAAAAATA
ATGGAGACGTTGAAGAGGCACCTTCCTGTCTCTGGTCAAGAGGGACTGAATGAATTACGAAAAATTGCTGTA
AGGTTTGAGGAAAAGATTTTACTGCTGCTACCGATCAGTCAGATTACCTAAGGAAAATATCTCTGAAGATGC
TTACCATGGAAATGAAAACCTCAGCACCTATGGGGAATTCATTACCATCAAATCCGATCAATGATATTGAAGA
TCCTGAATTAGAATATTTGAGTGAAGTATCCACAAAGATGATCGAAGAAGAATGGAGTTGGGAAAAAGTTAT
GGATTTTATTGCTAATATAAAATAATTAGAACTTTGTAATGTGCAATTTAGATGAGAGATTGCGAATCCATTCA

CTTGATCTCCATCTCCTCAGCGGCTTGTTATCGGAAGTTAAGCACCGGGAAGGTTCCGAAGCAATCAATCAGC
CATGGGGAAAGTACACGGATCTCTGGCTCGTGCCGGTAAGGTGAGAGGTCAAACCTCCAAAAGTAGCGAAGC
AGGACAAGAAGAAGAAGCCCCGTGGACGTGCACACAAGCGGATGCAATACAATCGCAGATTCGTCACTGCA
GTGGTTGGTTTTGAAAGAAGAGAGGACCAACTCTCTGAGAAGTAAGCAAATAGAGCGAACTCATTGAGG
GAGCTTGCCGCTAGAGAGGCGTGGTTTTGTGCTTACTATTAATCTTTTTCTTCTATTTCTCATAGATGTTTT
AGTTTATTGAGGCTTTTGACTGTGTAAAAGATGTTATTTTGACAATATATCAGAAGTAATGTGATTTGGATCT
GAATTTTTGTCTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCC
CCCAAAAAATTTTATAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGGCCCAATTCCCCCAAAGGGGGGGCAAA
TAACCCCGCCCCGGGGCCCGTTTTTTAAAACCCCGGGAAG

>trans_s_4394 GQ997953|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6
protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

TACTGGACGGAATTTCAAGCAATTAGATTCGATTCACAAGAACCCTAAATAACTTTCAACTCAAAGGAAAGT
CTAAAGTATGTAGGTTTCTGCTTTTAGCCCACTATTTTTTGGTAGTTCGATCGTGGAATTTATTTTTTCTGTAT
TTCCGGAATATGAGTGTGTGACTTGTTAGAATTGATCCTATGGATACGACAGAGAAGAAGTCGGTCATCTTGA
TGAAGATGATTTTATCTCGTTGGATATTCAGTCTAGGCTAGTATCTGGAGCACAGAATATATGAAATAGATTCC
AAAATATTAGAACAAATATTAGAACTATGATTCATACTTATCAGACCTCGTGGCCGGACTCCGAACTACTCTA
ACTACTGTTAAATAAAAAAAATTTATTCTTTCGTTTCTACTTATTTTGGTTAAAGGATAAACCTTCTTTAGCTTT
TTTCATTATATTCAATGATTGAATAAGCATTGAATAAGTGATAATCCAAGGGTTCTTACTCAGGGAATTTTGA
ACTTTTTTGAAGGTTTTTTATTGAATCATCGTGGTCTAGTCTGAATCTAAGGTTTTAATTGATTCATAGGGT
CTTAACAAGATAATTCCTATCAATAATAAGAAAACAAGAGTAAAGTCGCATTACATACAAACCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4395 NM_148353|Arabidopsis thaliana small nuclear ribonucleoprotein-related / snRNP-
related (AT4G18372) mRNA, complete cds

ATTTTAGGGGATGTTACTCCAAGACTCTCTTTTCATCCACGACAAGCCGAGAATCACACTCGGCTCCCAAGTT
CGCCTCTGCTACGCCGGCTACCACCCTCTCTATCCTTCTGCAACCCCTGGATCAGTTGAAGTAACCATAGATGG
AACAAGAATCAGGAGGATCCATGGTTCAGGATGGGAGCAATTTTACTCTAACTCACAGAGTTTAGATTGCAT
AGGAAAGGTGAGAAAGCTGCTGTTACGTGCAATGCTCATAGGTATTAAGATGGAAGGGTTTTCTGGGGCAA
CTTTTACTGCATTGACAAGCAAGGAAATATCATCCTTCAAGATGCAGTAGAGTATCGTAGCACTCGGCGTAGC
TCACCTTCTCCGATGGAACAACGGTGCCTTGGTCTTATTCTTATACCAACTCTTGCCGTGTATCTTGTCATGTA
GATAGTACCATCGATGAACAATTGGCATTGCTACCAGTTTAGCAAATATAAGATCAAGCCTGAGATTAAGAGG
GGATGAAAAAATCTGCACGCTTTTTTATGAATTTGACTGTTTCTATTGTTACAGAAAAATCTAAAACAATGT
GATGTTTTTAGTGGAATTATGGGATTAGGAAAAAAAAGAAAAAAAACCAACCAACCAACCAACCAACCAACCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4396 AF283536|Citrus x paradisi cystatin-like protein mRNA, complete cds

AAGCCATTCCCATAAATCATTTCCATTCTTCCAACACTTCAACAATAATGAATTCCCGCTCCGCTTTACCTT
CCTCTTCTCACCTCCTCCTCACCCCCCTTCTCGCCGCTGCTTGGAAAGCGCTCAGTGCCCGGCGGCTGGAGTA
AGATCTCAGACGTCAAAGATCCGCACGTTGAAGAGATCGCAAAGTTCGCGGTCGCCAGTACAACGAGCAAT
CCAAAGGCGTTGCAATCGAATTCAAAGGCGTCGAGAGTGGCGAACTCAGGTGGTTGCCGGAACCAATTACC
GCCTCGTGATCGATGCCAAGAGAGGCGAATCGATTGGCAAATATGAGGCGTTGGTTTGGGAGAAGCCATGG
GAGAATTTCAAGAACTTCAATCCTTCAAGCCTGTTGCCTAATTAATCAGTAAAGCCCTAATTTACGTCTATTT

TGCTCTTTAGTATTTGGTAATTAGGAAAAATAAAGTAATATTTCTAGTAATTTCTGGGCAAATCGTTTCTCTTG
TCGTTTGTGGATTGATCTGTCTTTGGTTACCAGATCTTTGTAATTTTATATTAAGATTGTTATAAATGTATT
GAATTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAATGAATGAACAAATATAAAATTATAAGCGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4397 Novel Gene

CTTCCGATAAGCCCTAGTTTAAACACAGGGCGGGGGGGGGCTTTTGAGCCACGCCGCCAATCCGTAGGAATCT
GCTTTCTCACCAGAAAGTCCTAACGGTCACCACACACTGTTGTGAGGCACCTATCCTACACATTCGATCAAGGT
TGTAAGTGCAGAGCTATAGTGAAGGTGCACGGGGTCTTATTACTCGATTGTTGGTACTCCGCATCTTCACGGA
GAATTCAATTTACCGGGTCCATGTCGGAGACAGCGGGGCAGTCGTGACACCATTTCGTGCGGGTTCGGAACCT
ACCCGACAAGGAATTTTCGCTACCTTAGGACCGTTATCGTTACGGCCGCCGTTTACCGGGGCTTCATTCAAAGC
TTATCACACTTCTCCTTCCGACCTTCCAGCACCGGGCAGGTGTCAGACTCTATACATCGTGTACCACTTAGCAG
AGTCCTGTGTTTTTAATAAACAGTCGCTACCCCTGGTATGTGCCGCTTTCCTAAGAAAAAGATAGGAGAGCA
CCCTTCTCCCGAAGTTACGGGGTCATTTTCCGAGTTCCTTCGACATGGTTCTCCCGCTCACCTTAGGATTCTC
TCCTCGCTACCTGTGTCGGTTTGCAGTACGGGCACCTATGATCTAACTAGAGGCTTTTCTTGGCAGTGTGAAA
TCCGGAACCTTCGGTACTCAATTTCCCTC

>trans_s_4398 AB240195|Hordeum vulgare Agl4 mRNA for alpha-glucosidase like protein,
complete cds

GTCTTGGTATGATTTTAGAACTGGAAGTATATATAAGGGTGGCGTTACCCACCAGATAGAGGTTTTGAAGAA
GGCATCCCTACTTTCCAAAAAGCTGGAACAATAATACCAGAAAGGACCGATTTCGGCGGAGCTCTACACAGA
TGGTGAATGACCCCTACACTCTGGTGGTAGCTCTTAATAGTTCACAAGCAGCTGAAGGCGAACTTTATATTGAT
GACGGTAAAAGCTTTGAATTTAAGCAAGGGGCATTTCATTCACCGCCGTTTGTGTTCTCAGACGGCAAACTTA
CATCATTGAACGTGGGACCAATAGCTTCTAGTAGCACTAAGTTTTCTTCCAAGTGTATTGAGAGGATTATA
CTGCTAGGACACTCCGGAGCAAAATCTGCTCTTGTGAGCCGAAAATAGAAAGGTAGATATTGAGCTTGGCC
CACTTCACTTCTTAAAAGGGCGTCGCACATCAGTACTTACAATTCGGAAGCCCACTTATTGATTACAGATGAT
TGGACAGTAAAAATTGTGAAGATTGAATGATGCATTTTATGTTGCATCGTAGGATTGAAATTGTTGTCCTC
TGACACGTGAACTAATGACATTTGACAAAGAAGACATTAAGGCTCCTCTCCTGCTGATATGCGTTGTTTTAC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4399 AY935269|Antirrhinum majus plena (PLE) gene, complete sequence

ATCTTGAATGCACGAGTATTCCAAATTTCACTTTTAGGTTGCATTTCAGAGATGGGTATTCTCGGAGCTATAGCT
AAGCATTTGGATGCAATTATTGGGTACTCTCAGAACCGAAAATTTCTGCTTTTATAATATCATCATTGTTTCTC
TCAATGAATTTCACTTTTCTTTTATTGATTACAGGCTGGAGTTATGCTTCTTATCCTTTTAAATAATATTAGAG
CAGATACGCATCAATAAGAGCAATTGAGAGTCTTCAAGCCTTGATGACCAGCAATGGCTGACTTATTGGGTT
ATATATTCTTATAACCTCTTTGAACTAACATTTTGAAGATCTTGGTTTGGATTCCACTATGGGGATATATT
AACTGGTGGCTTGTGTTGTTGTTCTACCGATTTTCAATGGGGCAGCTTATATCTATGAGAATATAGTGA
GGCAATATGTAAAGATTGGAAGATATGTGAACCCAACTATCCAGAGAATCAAAAGAAAGTACTTCAGATGA
TGACTTTGGATTCTAGGAAATCTGTGGAACGTTACATCGATAGATATGGACCGGATGCTTTTGAACGAGTAGT
TAAAGCTGTAAGATGTTATTTATATCGATATTTGTTGGTGTGATGTGTATCAATGTCTACGATGTTAATCTTGA
TAAGACTTGATTTTGTAGGCTGAA

>trans_s_4400 HQ388395|Medicago sativa subsp. falcata cold acclimation-specific protein
(CAS15B) mRNA, complete cds

GAGAAACACAAGAACGTAACCCCATTCCAAATCCATCATCAACAATCAAAACATGTCGGGATTCATCGAGAAA
ATTGGCGAGAAGCTCCACATTGGAGGCGATCACAAGGGAGAGCACCACGACGCTCACAAGGGTGAGCATCA
CGACGAACACAAGAAGCACGAGAAGAAAGAGGAGCACCATGGAGAAGGGCACAAGGAAGGGGATAATTGAG
AAGATCAAGGATAAGATCCATGGGGGGGATGGTCATCATGACGAGAAAGGGGAGAAGAAGAAGAGGAGA
AGAAGAAGAAGGGTGAGCACGGCCACGAACACCACGGCGGAGATAGCAGCAGCGATAGCGATAGCGATTG
ATGGATCAGATCAGCTCGGAATCATTAAATTAAGAGGTAGATTGTGTTCCGATCGCGTGTGTTGTGTGTTTAGT
ATAATAATAATCTCATGACTCCCTTTTGGTTCAATCCCTCTGTTTCCGATCTACGTTTTTTGTTTTTAATGTAAG
ATTGTTATGTACTGTATGTGTGGTGATAATAAAGATTAAGAGATTTTATATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
GGCCCCCGGCCCCCAAAACCTTATCAAACCCGCCAACCCCG

>trans_s_4401 AJ001771|Nicotiana tabacum mRNA for plastidic glucose-6-phosphate
dehydrogenase TPG16

ATTCTTCTTCATCACCTTCTCAATCTGCGTATTCCATGTTTCATGGATTGTCAATTCAGGACCCCTTCTTCTCCTC
ACCTACCTTTGTGCCTTCTCTCTTAAGAATGATACGATATTACCCAAAAATTTGTCTCCTCCCAAGAAAAAC
ACATTTCCCTTCGAGGATTACTCAAATTTCTGTAACAAATTGTGTTACCAGCCATCTTCAGCTTAAGTCATCGAA
TGGCCATTCTTGAATGCTGTTTTTTTACCAAATGGTAGTCTGGAAGTTCTTCTCAATGAACAAATTGCACT
TCAAGAGGAAAACAAATCGGTTCCGGATTGAGATAAAGTTCAATCTACCCTCAGTATAACTGTTGTTGGAGCT
ACAGGTGACCTGACAAAAAAAACATCTTCTGCACTTTTTGCTCTTATTATGAGGATTGTCTACCAGAAGA
TTTTATCGTGTGTTGGTTATGCTCGCACTAATATGACCGATGATCAACTTCTAAACATGATTAGTAAACTTTGAC
TTGCAAAATTGATAAGAGGGCAAACTGTGAGGACAAGATGGATGAATTTTAAAAAGATGCTTTTACCATTCA
GGTCAATACAGCTCTGAGGAAGATTTCTCTGAGTTGGACAGGAAGTTGAAAGAGAAAGAGGATGGGAAGGA
TTCAATAGGTTATTTTATTT

>trans_s_4402 AF419573|Arabidopsis thaliana AT4g27720/T29A15_210 mRNA, complete cds

TTGGTATATTTTGGCCTTCCATAATGAAGATGAGATCCCAGTACATTCTGAGGAGGCTAGAAGTACTATCATG
AACTTCTTCCGCATTCTCTCAACATCTTCGTGTGTGTGGTGCTTTATAATGTGGATGCTTTCCTATCACTGTG
ATGTTTGGCATGTGCGCCATTTCTTTTTGTGGCGTCGATTCTACAAAGGCGGCTTCAAGCAATCGCTGAGAA
ACCAAAGAGTGTTGGAGACTGGGGATTGAGCGAAAAGAATACCGAGGCAGATCCGTTAAACATCTAGAAGG
ACGGAGCACAGGTACTTTTATTGGGAGGTTAGAACATGAACCCTTGATTCATCTTGATACAGCAGCAGCTTC
ATGGAGTAGCTGGTATAATATTTTGAAGAATGAACTGTACACGTATAGTGGTCTGCCTCATCCAAGGAAAGA
AGATGAGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAGAGTAAAGGCTTAGT
TGACAAATTATGTTTTATCAATTTTGGGCTTCTCACAAGTGTCATTAAAGTAGAGCTTGTTAGAGATCTCT
CCAGCAATTGTTGTTGGGAATTTCTGAGTTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4403 XM_002313915|Populus trichocarpa methionine sulfoxide reductase type
(PtrMsrB1), mRNA

ATGCCACTTCCTTCACCTCCTCATTGACTCGTTACTCGTCCATCGCTCGAGGAAGAACACGACGGATCCTGATC
GACGGCTGCAATTCTCGTAAACATTTTTATGGCCGCCCATCTGCACCAGCTTCCATTAGAAATCAGAGGAAG
AATGGCAAGCTATACTCTCTCCGGAACAGTTTCGGATTCTTCGCCAGAAAGGAACTGAGCCTCGTGGCACTGG
GAAATACGACAAGTTTTATGAAGAAGGAATATACCACTGTGCAGGCTGTGGAACCCCACTTTATAAGTCAAGC
ACCAAATTCAATTCTGGCTGCGGCTGGCCTGCTTTCTTTGAGGGTTTTCTGGAGCAATTAATCGCTTTCGGA
CCCTGATGGAAGGAGAACTGAGATAACATGTGCTGCATGTGGTGGGCATTGGGTACGTTTTTAAAGGCGA

AGGGTTCGGGACACCTACTGATGAACGTCATTGTGTCAACAGCATTTTCAGTCAAGTTTGCTCCTGCTAATGCTT
CACAGTGAAGCCTCTCAGAGGCAGTCATAACCTCAGTATGTATTGTAGAATTGTTTTGGCAAATGATTGATAT
GTTTCAGCAGTATGTTGCTAATAAAGACGTGAAGTTAAGCATGAATATTCTTACCTTATGGCTGCATCTTAAACT
TATTTGTAACCTCTCTAGTCTTCTAAA

>trans_s_4404 AB218718|Prunus mume Pm15 mRNA for Cinnamyl alcohol dehydrogenase,
complete cds

GTTAATGTCAAAGATGTTGCTAATGCACACATTCTAGCTTATGAGGTTCCATCAGCCAATGGAAGATACTGTCT
GGTTGAAAGCGTGATTCACTATTACAGGAATTGTCAAGATATTGCATGATCTCTACCTTCACTTCAACTTCCAG
ACAAGTGTGCTGATGACAAACCGTTTACACCCGTGTATCAAGTCTCAGTTGAGAAAGCAAAGAACTTGGGCAT
TCAATTCATTCCCTTAGTAGAAAGCCTGAAGGAACTGTTGAGAGCTTGAAGGAAAAGAATTTTATCAACTTCT
AACTTTTAGGTATCTTGAGAGCCATGAAATTGTGTGAATTTTCTGACAGAAAATGATTAGGTAAAAAAGT
AAGTGCTTTGTGTGAGGCCTTGAATTGAAGCTTTACTCGATGACTTCTATGATTTTCTATTAGTTAAGTGTA
TAAAATTCTTCATGTCATATTGCCCTCTATTTTCATTCTTCTTTAGAAGGCCCTCTATCAACTCGAAAAAAGTATT
CTGTACTGCTTTCTTGCTTTATTTTATCATGGCTTAATATATTAAGTTCTCATTGCTTAATACAAAGGGAATCTT
TTAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4405 FJ460228|Glycine max glycogen synthase kinase (GSK-3) mRNA, complete cds

TACACAGAATTCAAGTTTCCCCAAATTAAAGCTCATCCATGGCACAAGATATTCCACAAGAGAATGCCTCCAGA
AGCTGTGGATCTCATTTCAAGATTACTTCACTACTCTCAAACCTCCGAAGCACAGCGTTGGACGCTTTGATTC
ATCCGTTCTTCAACGAACCTCCGTGACCCAAAACTCCTCTGCCAAACGGACGTTTCTTCCTCCCTTGTTCAACT
TCAAGGCTCATGAATTGAAGGGAGTACCTCTGAGATGCTTGTGAGGCTTATTCCAGAACACGCAAGGAAAC
AATGCAATTTTCTTGGGTCGTAAAGCGGTCTGGTAGTAGTCTAAACCTGCAGTGACACATAAGCCTGTAGAA
AGTAATAGCTAGCATAAAATTACAAATGGAAACCCCTATTATTTGTTATTTTCTTCCCTGTTAATTTGGTCCCA
TTCCCTATTATTTTTCATATCCATGGCCGCCCTTGTTTGTCCGTGTAGAAATCAAGTTGAGAGATGGGTCTG
CTTGGTATGATCTTAATACCTGCCCTTCATTGTAGTTAACAACAGATTGTAATTCCTTGTTGCAAATGAACAT
AACCTTGGAATATGCTCATCAGCAATTTGCCACTTCAATTACCATTTCTGTGAAGATTGTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4406 AJ844012|Plantago major mRNA for major latex-like protein 1 (mlp1 gene)

TTTTTCTTGCATATAAAAATAAAAACAAAATGGCTCAAATTTCCAGATTTCTGCAGATGTTCAAATAAAATGT
TGTGCTGAGAAATTCTATGGTTTTTTTAGGAAAAATATGTTCCAATTGGCCCAAATGTTCCCTAAAAACCTTCAT
AATGGTGAATTCCTTGAAGGAAATGACTTTACTACCGGCGCTCTCATGCAGTGGTCTTATGATATTGTTGGCCC
TGCAAAAGCGAAGATAAACTGGCTGATGTGGATGAACAAAACATGTCAATCACATACGAAGCTGTTGAAGG
AGACATACTAAGCGACTACAACTTTTTCAGAGTCAAGTTTCAAGCCTCTTCCAATGGAGAAAACGGCAGCGCC
ACTGTGAAATGGTCGATCGAGTTGAGAAGGCTGACGAGAACATCCCTTCCGCGGAAGCTAATTACCTGGAC
TTTGTCTTAAGCTCTCTATGGGACTTGGTGCTTACCTTGCTACCACTAACTAATTAATAGCCACTACAACCT
GATGCTTACCTTTCCTTGGAGATGCTGCAATGTTATTATGTATTATTATGAATGTATTTGGACTTTAATATAAG
GGGCAATTGCTAGGTTCAAATGGCCGTTGCTTTCCATTGTATTATATATAGTAGTTAGTAGTATTTCGATCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4407 FJ665980|Juglans nigra EF-hand motif containing protein mRNA, partial cds

GATGATAAGGAGTTGCAAGGTGTTCTGTCATCGTATAATCAGAAGTTTAGCATCAGAACTGTTTCATCTTCTCAT
GTACCATTTACCAACACGAATACCAGGAAGATCGGACCTAAGGAGTTCATTTCTCTGTTTTATGGACTTCAGA
GCTGGAGGGGTATTTTCGAGAGGTTTGATTACAGACAGAAGTGAAAAATTGATTCCAATGAGTTGCGAGATG
CACTTTTGAGTTTGGGCTTTGCAGTCTACCAATGGTCTTGACTTGCTGGTGTCTAAGTTTGACAAAAGTGGT
GGGAAAAGCAAGGCCATTGAATACGATAATTTATCGAGTGTGTCTTACAGACAAGGGATTGACCGAAAAA
TTCAAGGAAAAGGACACTACATACTCTGGTTCTGCAACCTTCAGTTATGAGGCTTTCATGTTGACTGTCTTACC
ATTTCTCATTGCCTGAGGAGTAAGCCTTGTTCCAGCACGTTTGTTTCAGTGTAAAGCTTGAGTTTTCTTTGGCCT
TTTCTTTTGATTTCTTTATGTTAGAATCTATTAATGTAGCCTCATCCTTATCAATGTTATAAGTTATGTTCTTTGT
ATAAATTGGGTATCTTAAGTATTCAATGATAGTTCTATGAATATCTCAACTGTTTACCTGAAGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4408 XM_002866663|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WD-40 repeat family protein,
mRNA

TTCCGTTTCATTCTTCATTCCAACCTCCCCGTAAGTAAAAATCTCTCTGTTTCATCGTCTCCTCCAGCTCCCCGT
ATGATCTTTTAACCTCTCTCCGGCCTCACAGCCGGCGTTCTTTTGCCATGACGTCCATCACTTCCGTGCAATTGA
ATTACCTCGTCTTTCGGTACCTTCAAGAATCAGGTTTTATACATTACGCTTTCGCATTAGGGTATGAAGCTGGC
ATTAACAAGTGTTCTATTGATGGCAATTTGGTCCACCTGGTGTCTAGTTACTGTTGTACAGAAAGGGCTTCA
ATATTTGGAGATGGAAGCTAATTTGAGTAATAACGATACAGATCTAGATGAAGATTTTTCTTCTACAGCCTT
TGGACCTTATTACAAAAGATGTCCACGAATTGCGTCAAATAATTAAAGATAAAAGGAAGAGTTTAGTAAAAGA
TAAAGAGAAAAGATAAAGATTTAGATAAAGAACTGGAAAGCGAACGAGGACGTGTAAGAGAGAAGGAACGG
CGTGAAAGTGAAGTTGAACGTGGACGTGCAAGAGAGAAGGAACGCCTTGAAAGGGAGAAAAGAAAGAGTGG
AAAGGGAGAAAAGAAAGACTAGAAAGGGAGAAAGAAAGACTAGAAAGGGAGAAAGAAAGACTGGAAAGGG
AGAAGGAGCATGAAAAGGATAGAGATAAAATAGA

>trans_s_4409 GQ998325|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 photosystem II protein
D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

CGCCGGTGGACATTGAACCCATTTTCATATGATGGGAGTTGCGGGTGATTGGGCGCTGCTCTGCTATGCGCTA
TTCATGGTGCTACCGTAGAAAATACCTTATTTGAGGATGGGGATGGTGCAAATACATTCCGTGCTTTTAACCCA
ACTCAAGCTGAAGAACTTATTCAATGGTCACTGCTAACCGCTTTTGGTCCCAATCTTTGGGGTTGCTTTTCC
AATAACGTTGGTTACATTTCTTTATGTTATTTGTACCAGTAAGTGGTTTATGGATGAGTGCTCTTGAGTAGTT
GGTCTGGCCCTGAACCTACGGTTTATGAAAGACGAACAAGTGGCAAAGCATTGCGCAAGGATGTTTTCATTAA
TCAAGAACGAAAGTTGGGGGCTCGAAGACGAGACTCGCAATGAAGCTGAGACCTAAATCCTAAGCTAGAGCC
AGGGAGAAGCCAAGCTAAATCCAGACACAAGTAAACACTTTGTTAAACCCATTAAACAACAGGCTCTACGACG
AATAGCGGTTAGAGATTCAACCGACGGTGTGTTCTCAATTCCTGTTTAGATGTTAAGTTTGTACTATATTCTG
TTCTTTTATGAATTCGAATGTTCTTCGGGTTACTGTAATCTTGAAATACTACTACACAATGAATGAATATAGGC
AGTAGCCTGGTTAACTCTACTG

>trans_s_4410 BT026090|Arabidopsis thaliana At4g13500 mRNA, complete cds

ATATCCAAATCTCTTGTGTGGACTTGGCAAAAGAGCTTCAAGAATACTTCATATCCGAATCTCTTGTGCGATCC
TCAACAAACACAGCAGTCACTAATTCAACAATGGCCGCAAAATTCCTCTTTCTTCTTCCCTTACCGTCAAAATTT
CCTCTCCAACAAAACCTTCTTCTTCTTCTTCCCTCTCTTCTTCCCTTTCTCTCGCCAAAGCTTACGCCAAC
GCCTTCTTCTCACTTCAAGCTTCTAGCAAATTTAGGGGGTGGCGATGCAGAAATCAAGAAGGGAGGGGAAGAA
AAAATTTATACTAAAGAAGAGGAACACAGCAGTATTGGCAAACAGCAGGGGAAAGGGGAAGGGGAGAATC
CTATGAAGACTCCTCTTCTTATATCATCATCTTCGGTATGTCGACTCCGTTCTGTGATCTTAGCCATAGCTTTTCG

CCAATGGTTGGGTAAAGTTCCTGTGAGATGAATCTGTACAACTCATTGTGCAAATGCAAATGCCAAGGGAA
CAACACCATGAGAGTAACCTGAGATCTTCCACAGCGCACAAAACCCTCTGTTTATGCCTGTTTTGAGTTGTAAT
GTTATTTACAAGCTAAAACAAAGTATAGTAACTCAGCTCCTTTTCGATGATTTGAGTGTGGATTCTTTATCC
CCCCATTTCAATGCAAGTATTT

>trans_s_4411 AF358665|Mercurialis annua ribosomal protein L32 mRNA, complete cds

AGGAAACCCTAGTCTCTGTGAGTACTTACTCTCCATTCCGCCGCTAGGGTTTCTCTCGTTATTATCCTCTTTGAA
TGATCGAAGCTGGGACGGCCAAAGGAAACCCTAGTCTCTATATAAGCGAAAATGGCGGTGCCTTTGCTGTCTG
AAGAAGATCGTGAAGAAGAGGACCAAGAAGTTAAGAGGCCTCAAAGTGATCGAAAGATCTCCGTCAAGGA
AAACTGGAGAAGACCCAAGGGTATTGATTCTAGAGTTAGAAGAAAGTTAAAGGATGCACATTGATGCCAAA
TATTGGTTACGGCACTGACAAGAAGACCCGTCCTACCTGCCTAATGGGTTCAAGAAGTTTGTCTTCATAAT
GTCAATGAGCTCGAACTCTTGATGATGCACAACAGAACGTACTGTGCTGAGATCGCCCATGATGTTTCGACAA
AGAAAAGGAAAGAGATTGTTGAGAGGGCAGCTCAACTCGATGTTGTAGTTACCAACAAGCTTGCTAGGTTGC
GCAGCCAAGAAGATGAATGAACAATTTAGATCCTTTTCATGCCAGTTTTTTCATCATGCTTTGTAGTGAGATTTT
GTTAATATATATCCCTTTTTTGGTTCAAGAGATTTTGGTATTTGATGACCGTCTGAATTTTTACAATTTGTCACTT
AATACATTATAATTTTGAACCTTGATTTAAA

>trans_s_4412 NM_001061891|Oryza sativa Japonica Group Os05g0371500 (Os05g0371500)
mRNA, complete cds

GCGGTGCCACATTACAAAGAATCTTGAGATATGGCAATTTCAATTTCTCGACTCGGAAATTCATTCCCTTCTCC
GGCCTGTTGAGACAGCTGGAGCAGGAGATGGAACTGTCATAAGGGTTCTGCAGCCTGGACCTCTGGGAATT
ATTGAACACAAGTTTTCTGCTGAGGAGATGCGCCGGGCACAATCCACTGTTGCGGAAGCAGTTAATAATTGGC
GAAGGAATACACTTATTGAAAAACAAAGCTGTATTTCAAGTAACCATAGCTAGGAGAGAAATTGTTCCATAG
TGATCTTCAAAAACATCTTGATAATTTCTTTATTAGATTCTCAATAAAATTAGATCAAACAGTGTCAATCACAA
AAAAAATATGAAATTGATAATACTAATGAGCCTTCAGGGTATTATGCATTTGTTTGAAGAAAGTTTTGTGGG
CCATCCAACTAGGTCGGAAGAAGCGTGTAGCAGCTAAGGTTACATGTGGATCTTTTCTTTGTAAATTCTGTT
AGTAACACATTGTAGCGATGGGACATATCCGAAGAGAGTGACGAAGAGTGTGATGTAAGGGAGGGGAAGTAT
TTAGTCATATAGTAGGGAAGAACTTCGGACTTCGATCTTCATTTGGAGTGCATTGAACGTATGGTGGTTTTTT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4413 FJ851363|Populus tomentosa IAA-amino acid hydrolase (ILR1) mRNA, complete cds

ATCACTCGTTGGTTTGTTCAAATTTACTTCCAAATTGATTGCCGGAAGATTCCCGGTGCCTCTCTCCGATGGAA
CAAATACTTGACGGGCGTTGTTTTTCATCTTCCCGTTTTTATATTATCGGCCCTGGGAAGTGAACCGCCATTG
GAGTTGAGTAATCTGACTCGGGAGCTTTTGAATCGGCAAGAAGCTCCGAGTTCTTCGACTGGTTAGTTAGG
GCTCGAAGGAAATTGCACGAGAATCCAGAGCTGTCCTTCGAGGAATTTCGAGACCAGCCAATTCATCCGAACA
GAGCTGGAGTCGCTTGGGATTGATTTCACTTGCCAGTTGCTAAGACCGGGATTGTGGCTCCATCGGATCAG
GAGCGCACCCATGGTTTCGCTCTCAGGGCTGATATGGATGCTCTTCCTATTACAGGAAATGGTTGAGTGGGAGCA
TAAGAGTAAGAAGAATGGCAAAATGCACGCTTGTTGGCCATGATGCTCATGTCACAATGCTTCTTGAGCTGCT
AAGTTGCTTCAGCAAAGAAGAAATGAACTCAAGGGCACAGTGAAGCTTGTTTTCCAACCTGGGGAAGAGGGA
CGTGCTGGGGCTTACCATATGTTAAAAGAGGGTGCGCTCGACAAGTTCCAAGGCATATTTGGGTTACATGTTA
TGCCAGATTTGCCCATAGGGACAATTGGTTC

>trans_s_4414 NM_114946|Arabidopsis thaliana clathrin adaptor complex small chain family
protein (AT3G50860) mRNA, complete cds

TAGAAACATTGGACAAGTGCTTCAAAAATGTATGTGAGCTTGACTTAGTGTTCAACTACAGCAAGATGCATTC
GATTTTGGATGAAATCATTTCTGGTGGCCAAGTGCTAGAGACTAGTTCTTCTGAAGTGATGAAGGCTGTTGAA
GAAATATCCAAGTTGGAAACAGCCTCAAATTTCTATCAACTTTGTCTCAAAAACAGTTTCTGGTTGGCGGGGTTG
AGTTCGTTGTTTTAACCGAGTTGGCAACACGAAATTTCAAGGCATTCTTTAGATGCCTTGCCTCGAAATTTTTG
CTAGACCTGTTGTTGGTTTTGACTGATTAGTGTGGATAGGCAAATCTCCAAGCTATTGATTGGAAGACAACAC
GTATTTGCATCATTAAATTGACAGATTTGAGATGGCTGCTGAGTAGAGCCACTTATCTCAACTAGTTGTGTTGGT
TCTTAATGGCCATGCTCTCAAGCATCTACTTGACATATTATTTGAAGACTACTTTGCCTCACCTGGATTTTGAT
TCTATTTACAATTTGATGAAAAGCAGTTTCTCAAATATGTTGAATGAATCAATTTGTTGAGAAAAAGATTAAG
GTCTTTTCATCCTTCTAATGTTAGATTTTCAATTTTCAAGAAGTTCAATCAATATGATGTCTCTTTAATTGAAAAA
AAAAACGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4415 XM_002893068|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata opc-8:0 CoA ligase1 (OPCL1), mRNA

AGGCAACAAATTCAACCCTCGACTCGGAGGGATGGTTGAGAACCGGTGATCTGTGTTATATCGACGAAGATG
GTTTTATTTTTGTAGTTGATAGGCTTAAGGAACTCATCAAATATAAGGGTTATCAGGTGCCACCGGCAGAATTA
GAGGCATTGTTGCTAACTCATCCCAACATCTCCGACGTAGCCGTGATTCCATATCCAGACAAGGATGTTGGAC
AGTTTCCTATGGCTTATGTGGTAAGAAAGGCCGGAATGACCTTTCACACGACGATATCATGCAATTTGTAGC
AAAACAGGTGGCACCGTACAAGAGGATTCGACGGGTGGCGTTCGTGGATTCCATTCCAAGAATCCGTCCGG
TAAAATTTTGAGGAAGGATCTTATAAAGCTTGCAACCTCCAACTCTAAATTTAACGATCTTTATATAATCTGG
ACCATTGATGAGATCGTTAGATGTTGATGAGATTTAGTCCATGTACACAAAGTCGATATACTATACGTTGATTG
TAACGACGTCGTTTTGATACAATTGTCATTTTTTCTTTTTAAATGTTGAATGTATAATAATATGTATGAAGTTG
TATTGAGAATAAACTTAATAGAAGTCAATTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
ACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4416 XM_002330289|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription factor (ERF68), mRNA

AGAAGAAGATTGGAAATAAGCGGTGGAAGAAGACTTATAGAGGCGTTCGGCAGCGGCCGTGGGGGAAATG
GGCGGCGGAGATCAGAAATCCGAACTGGCGACTAGAGTTTGGTTAGGGACGTTTAATACTGCTGAAGAAGC
TGCTAGGGCTTATGATAAGGCGGCTTTGGAGTTCCGAGGGCCGCGAGCGAAGCTTAACCTTCCGTTTACGGAT
GACTCGTTGAGAATGATGAGTTCCGAGCGGGAAATACAGAGGACGGAAAATGAAATTTCTAGAAACGGTAG
CAATTCGTCGGGGAATGGAATCGGGAATGAAGACGAAATATGGGGAAAAATTGCAAAAGATGAAATGGATC
AATGGATGTCGACGTTGATGACGGATCACGGTGGCGATTGTCGGATTCCGCCAGTATTGGAACCTGGGAAT
TTTCTTGATTCTTTTCTAAGATTAGAATAGCAATAATAAAAAGTTTGTGTTGAATTTTATACAAAAATAT
AGTTAGTGAATTTGATAGCATCCATTTTGGCAGTTCCTCTAAGTATTTTTTAGGACAACCTACCAACTTAACCT
AAATTTTGGGTTGTTCTAATACCATATCAAATTGGACATCAATTTAATCAATTGTATAAGATATGGGTGTATT
ACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4417 U66277|Cucurbita maxima phloem filament protein (PP1) gene, complete cds

GACACCACAAAATCTTCAATACTATATATCAAATATCAACTAAAGATCAGTACAAGAAAATGACACTTGGTATT
GGTGGAGGAATCAGTATCGGCCTTGGTATTCTTGGCATCAATATATCGATCGGCGGAGGCATCGGTATCAGG
GGTAGAAAGGGGGGGTGAAGAGTCATGATCCTTCAAAAAAATGGACTGAAATTAAGAGTGTGAACGATCC
TGCTATCATAGAAATTGCTAAGTTTGCAGTGAAAGTCTTCAACCAAAACATGGAAACAATCTCCAGTTTCAAG
CCGTTTTGGAAGCTTGGGTTGTTGTTTCATGTTGATGGCAAGAAAGAGTATAGTATTGAATTAGTAGCAAAAGA
CTGTTTGCATCGTTGCCTCCAGTATCATGCTGTTGTGATTGAAATCTGTGGCACTCCCCCTGGCTGGAATCTTGT
GTCTTTCAACCAATCGTCGAGGAAAAGTAAAAAGTTATATGTATAATCGAAAGTTTATACTTATATATGTGC

GAGATCTACGCAATAATAAATCTTATATGATACCGTAATGTTGACGATCTCTACTTTCTTTCTTCACTATATCTAT
TATAAAATAATCGAGGTCAAACGACGTTTTTAGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4418 CT029535|Poplar cDNA sequences

CAATCGAACATTTGTAACCTTCTATGGCTTCTGATGCTGTTTCATGATCTGAATTCCTTCGTTTCATCCGAGGGGA
GGGACTTTCTCATCCGCAGTAATGGCGATCAGGTGAAGATCAGTTCTTTAATTGGGAAGAATGTGGGATTGTA
TTTCTCCGCGTCATGGTGCCCTCCCTGTCGCCGTTTCACTCCAGTTTTTGCTGGGGTTTATGAGGAATTAGTACC
TAAGGGCGAGTTTGAAGTTATATTCATTTCTTCTGATAGAGATGAAGATTCATTCAAGGATTACTTCTCTAAAA
TGCCCTGGTTGTCTATTCCGTTTTCTGATTCCGAGATCGTTAAGCGCTTGAAAGAAGTTTCAAAGTGAGGGGA
ATTCCTCATCTTGTTGTTCTTGACCCAGTGGGAAGGTTTCAACTGATCAAGGAGTGAGACTAGTGAGTGAAC
ATGGGATTAATGCCTATCCCTTTACTGCTGAACAGATCCAACATTTGAAGGATAAAGAGGAGGAAGCGAGGA
GGAACCAAACCATTAGTTCCTTTTGGTTTCGAACTCTCGTGATTATGTTATCTCAAATGGTGGAATCAGATT
CCTGTCTCTGAGCTCGAAGGGAAAGTGATTGGGCTGTACTTCTCAGTGACGGCTACGCCCTGTGTGATGAGT
TTACGCCTATTTTGGTTGATACTTA

>trans_s_4419 Novel Gene

AGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAGAAAAGAGAAAAAGAAAAAGTAAGGAAAAAGTA
GAGGGGAAATGATCTTTTGGCCCCAACCTATTCCAGAATCGAAGTTCTCAAAGTTTCATGGGTTTATGTGTTCC
TGCTTCGAAGGAATGTCGGAAGGCTAGGAACGTGCATCATCCGCTTGAGCTTGCTCTATTATTTTGGTCG
TTGATCACATATATGGCCGAGATGAAAGGACTTGATAGCAAATGTATCTTAATTAACGAACAAATCTATATTT
TGTGTGTTTTGTGCTGTGGTTTTCTCGGCTTTATTCATCCTCCATCTCTCCATGTCTTCACTTTTGTGTAATTGTAG
AGAAGGAGATGCAATCTATGTATTTGAATTCAGATATTTAGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCC
CCCCCCCCCAAAAAATTTTAAAAACCCCCCCCCACCGGGGGGGGGGGCGCGCCCCCCCCCCCCCAAGGGG
GGGAAAAAAAAACGCCCTCTGGGGGGGCTTTTTTAA

>trans_s_4420 AY062777|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g07570; MLP3.2) mRNA,
complete cds

ATGTAGTTCTTTCAAACAAGAAAAGAAAAAAGATACATTGTTTTAAACGACGAGTCGGAAGTCTTGTGGAGC
TTGTGTGGTTCGTTCTTGAAGAAACCGGCGAGAGGCCAAAATGTTGAGAACTCGATTGTTTTGGTTCAGTATT
GGATTGCGGACTACAGCTGCTTCATTTGCAATTCGTCTGGAGAGACCTATTGGCTCATCGATCTGCTCTTTT
ATCTGATATGGAGCGGAATTTTGATGCCCTGGAAGCTAGAATCTCAAATCTCGAATCCGTTTCAAACCGGAAT
TCGATTTTCATCTGCTGAGAAGGCCAATGACTGATTGTTGGTGGAGCTCGTTATTTAGTTTAGCACACAGAGGG
GAAGCAATCTCATGAGGTGTTATTGTTGGTGGGATTTTGACCAATATTTATGCAGGATGAAACCCCATGCAA
AAGTTATAACTCTTTTCTTTCTTCCCTTTTCTTTCTTCCCTCAATAAAAAATGGAGAATTTTGTATAAAAAAGT
GAACTGAACACAATTATCCTATTTGAATCCTTTGAAACAATCCTTTGTTTCTCAGTAAGACAAGGGAGGCTTAG
CAAGTTTCTCACTGTTGAGTTGAATTTAATATCACTCTTGTCATTATCAATTCTCAAATTGAGGATGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4421 AY106899|Zea mays PCO110557 mRNA sequence

GATATCTTTGTCTTAAGAAAGGAAAAAAGAAACTGCGGCATATTGTGTTTTGGATTCTCGGGCATCGTAGGA
GTAGCTTTCTTTATAATCTCAATGCTAATATCAAGTTATGGGATAGGCGTTGGTAATAAGCTTGAGGAGCGTT

GGCATGCAAGGTTTTTGCAAGTATTTATTTATTTATTTTACATTTAGTTGAAGAACTGAGTAATCTGCT
GTTTTCAGTTGTAATTTTGGATTTTCATCGGTTAATAACAACCATTCGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATAGAACCCCCCCCCCGGG
GGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCAAGGGGGGAAAAATACCGGCGCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCC
CGGGCGGGGAAAACCCCGGGGTTTCCCCACTTAAACCCCTGGCCAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAA
AAAAAAAAAAGCCCCCCCCCGCCCCCCCCCCCCACATTTTCCCCCCCCGAAGGGGAAAAGGGACCCCCCGG
ACAGCCCCCTTTAACCCGGGGGGGGGGGGGGGGGG

>trans_s_4422 DQ226967|Boechera divaricarpa isolate AD-C5 mRNA sequence

ATCGCCATTCCAATTGATTTCCATTTCCCCATTTTGTTTCTCTCTCCATTTCTTTTCTCCTTCTTCAATTTCAAT
CTGCTGTAGAAAAATGAGTAAATTTTGGACCTTGTTACCCAACCTTCATACTCTTTCTGGGCCTGTTTTGATGT
TGCTGTATCCTCTATACGCGTCGGTGGTAGCCATTGAAAGTACCTCTAAATTGGACGATGAACAGTGGTTGGC
TACTGGATCATCTACTCCTTTCTCACTCTCATGGAGATGTTTCTCAACCTGTATTAGAGTGGATACCAATTTG
GTATTCGGTGAAATTGGTATTTGCGGCGTGGCTGGTCTGCCACAGTTCAAAGGTGCAGCTTTCTTGTATGAA
AGATTTCGAAGGCCGCACATTAAGAAATATGGTGTAGGAGGCAGTTCTGCTGATGCCAAACCAAGAATCAC
TAATTACATAATTATGGATTAGAGAGGGAGCTGGAATCTTGATGACGAAGGTATCATAAAGGAGAGTTTGGT
TGCTTCGTGGTGGACCATCTTTCTGGATTTGACTTCTTTTGTCTGTTGTGTTTCGTTTGTGTTGTCTAAATAGAA
CTTGATTGGACATCCTTGTAATGAAACAAACCCTTTTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4423 NM_001084382|Arabidopsis thaliana lactoylglutathione lyase family protein /
glyoxalase I family protein (AT1G80160) mRNA, complete cds

TGGAATTCATCTCTTGCAATCGGAAAAACCTGAGAATTTGCCAAAAAAGGCGAGATTAATCCCAAGGATAAT
CACATATCATTTTCAGTGTGAGAGCATGGGAGCGGTAGAGAAGAAGCTAAAGGAAATGGAGATTGATTACGTT
CGAGCAGTAGTAGAGGAGGGAGGAATACAAGTTGATCAGTTATTTTCCACGATCCAGATGGATTTATGATTG
AAATATGCAACTGTGATAATCTACCGGTGATTCCATTAGGTGGGGAGGTGTCAAGATCATGTTTCGCAGTTGAA
TCTTCAGATAATGCAGCAGCAACAGCAGATACACCAACTCGTTTAGCACTATCATGGTATTCGTATCATCATCA
TCATCATCATCATCATCATCATCATCACTTGCTCTCTGTATAATGATGACCAAGAATCCATTAAGAAATA
TCGATCTATTTTGTGTAATTGTTGTTGCTATTATTCGAAGGTGTTTTGAAATTTAAAAAATGTACCTTTGCTT
TGCTTGTCTTCTTTGTTTAGGAGATAAAGTGGACATGTCAGCATTTTGGGACTTTGTTATATCATATGAATAA
GTACTTATTGTTGTTGTGTTTCGTAATCAATGCTACTACTACAATTTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4424 X67427|Pisum sativum ptxA gene

CATCACCCTCCCCCTCCTCCAGTGTATGTTCCCGTGCCGCTAGTCCACCATTAAAGCCAGCGCCAGTGGTT
CCATCGCCATCGACGCCATGTCCTCCGCCGCCGCAAAACCGGAGACATGCCCCATTGACACGCTGAAGTTGG
GAGCGTGTGTGGACTTGTTGGGTGGGTTGATCCATATCGGAATTGGTGACCGTACGAAACAACTTGTTGCC
TGTTCTTGAAGGACTAGTGGACTTGATGCGGCAGTTTGTGTTGTGTAACCATTAAGCTAAGCTTCTTAATA
TTAACCTTATCATTTCCATTGCCCTTCAAGTCCTTATCGATTGTGGGAAACACCCTCCCTCTGGTTTCCAATGCC
CTAATTACTAACTCACTCACTCATCCCTTCAGGAGTCACGGGCGCAGCTGTAGCTATTTATTACATATAGTA
AAATAATAATGATATTATTATTCGAAATTGGGAAGTGAGAAGCAAAAGACAAGACTGCTTTTTCTTCTTCTCT
TTTCTGAACGTGAAATGTTTGTTATTTTGTGTTATTTTGTGTTTGTGTTGAGTTGAGTTTCGAGTTTCGAGTTCTGTAGTGT

TTAATACCAAATCTATGTACTGTGCCATTAATGTGACTATTAATGAATCTTCTTTAATCATTGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4425 DQ875136|Nicotiana benthamiana myosin XI-F mRNA, complete cds

CATGTAAATGGAGATATGCCCTGGAAGCAGTTGGTAACAGTAATAGGTTTCATGAACTGGATTGCAAGACTT
GCAATTGTTTCGTCGTATACAGGTGGTTACAAAACACAAGGTTCTCTGGTTGAAGACCGAATGTGCGTTCTAT
GGATTTTGGTTTACGAAATCGAAGTTTCTTGGTTGAAGACCAAATATGGTTGTGGATTTTGGTTGGTATG
ATCTGATTTTTTTGCCAACATACCAAGTGTGAATGCTTCACCCGGAGGAACGTGCTGGTACATATACATACGT
GGCTCGAAAGACAGGAGATCAAAGCCAAGAGGGAGATTCCAACTTTCCCTTTGCTTGATGTTTTGGTCACGA
GCCAAGTTTTTTTTTCCCTTGGAAGCCGAATGTAGGAAGTACCTAGTAGTGCTCTACTTACCATAATTTCACTG
GGGGTGGTTGGTACACAATTGTACTTTGATTCTATGCGTGGGGCAGTGAATCAGAAACATCAAAGTTATACTG
TTTCATGTCGTATATGGAAACGTGATGGATTATGGTGTGTTGCTATCGACTAATATATATCAGTTTTATTNA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4426 AY290723|Triticum aestivum acidic ribosomal protein P1a-like mRNA, partial
sequence

TAAGCGCATTTTGCCTCCCAATCGTCTCCTAGCCATCTATTAGCCATGTCTACAAGTGAACCTGCGCTGCGCCTAC
GCCGCCCTGGCTCTTCACGACGATGGAATCGCAATCACTGCGGAAAAGATTGCAGCCGTTGTAGCAGCTGCG
GGGCTCTGTGTAGAATCTTACTGGCCTAGCTTGTGCTAAATTGGCGGAGAAGAGGAACATTGGGGATCTTC
TTCTTAATGTTGGATGTGGAGGTGGCGCTGCGGCTCCCGTGGCTGTAGCTGCTCCTACCGCTAGTGCTGCTGT
CGCTTCTGCCATCGAGGAAAAGAAGGAGGAGCCAAAGGAGGAGAGCGACGATGACATGGGATTGAGCTTAT
TCGATTAAGAGGCTTTCTTAGCTTTGTAGGATTTTATTAGGAACTATTGGGTGGGTAGCTTAATCTTGATTTT
CCGCTGTTGGTCTCAAGATTTGTTTTTTTAATAGGCCGTTTTGAGTTTTGATTTGCCTTCAATGTACGATGGTA
ACTGCATCTTTTCACTCCTTTTCTTAACACATTGGAATGAGATCAAACCTTATGAGAGGAATTCTTTGGTT
AAACCCTGAAACCAGTTTTCTTGGTTTATGATTTCTAGGTTTAGTTAATAAGCACTTTTGAAATCAAAAAAA
AAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4427 NM_179121|Arabidopsis thaliana 2-oxoacid dehydrogenase family protein
(AT4G26910) mRNA, complete cds

CGACATTCAATGAAGTTGACATGACTAATTTGATGAAGCTTCGTTCTGATTACAAGGATGCTTTCGTAGAAAA
GCACGGAGTCAAGTTGGGTCTTATGTCTGGATTTATCAAAGCTGCTGTCAGTGGGCTTCAGAATCAACCTATT
ATTAATGCTGTGATTGATGGGGATGATATCATATACAGAGACTACATAGACATCAGCATAGCCGTCGGCACTC
CTAAGGGTCTTGTTGTGCCAGTCATTCGAAATGCTGATAAGATGAATTTTGCTGAGATAGAGAAGGAGATAAA
CACCTTTCAAAGAAGGCAAATGATGGTACCATTTCAATTGACGAGATGGCTTGAGGTTCTTCACCGTATCCA
ACGGTGGTGTGTTATGGAAGCCTTTTAAGTACCCCAATTATTAATCCTCCTCAGTCAGCAATCTTGGAATGCAC
TCTATCGTCTCCCGTCCAGTGGTGGTTGGAGGCAATGTTGTCCCGAGGCCAATGATGTACATTGCTCTAACATA
TTACCATAGACTCATTGATGGAATAGAGGCAGTATTCTTCTGCGCCGCATCAAAGATGTCGTGGAAGACCCA
AGGAGTCTTCTCCTTGACATATAAAAAGTGTGCCTCCTAAACCGTAAGCTCTTTATGAAGAAAACTTCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4428 AB008846|Cucumis sativus Csf-1 mRNA, partial cds

AACGGGACTTTTGTATTGATCCCCCTCCATCGGCGCCGCTGCTCCTCACAGTTGCTAACCCTTAGCCACCAAAA
ATGCCTTTCAAGCGGTATGTTGAGATCGGGAGGATTGCCCTCATCAACTATGGTGAGGATTACGGGAAGCTTG

TTGTAATCGTTGATGTAATTGACCAGAACCGGGCTTTGGTCGATGCCCTGATATGGAGCGTTCTCAAATGAA
CTTTAAGAGACTCTCCTTGACCGATATCAAAATTGATATTAAGAGGGTCCCGAAGAAGAAGGAACTGATTGAA
GCCATGAAAGCTGGGGATGTTGAGAAGAAATGGGAGAATAGCTCTTGGGGCAGAAAATTGATTGTTAAGAA
GAGAAGAGCCTCACTCAATGACTTCGACAGGTTCAAGCTTATGTTGGCGAAGATTAAGAGGGCTGGATTGGT
TAGGCAAGAGCTTGCAAAGTTGAAGAAGGCCGAGGCTTAGAGGTTCAATTTTCGAAGGGATTTTCTCATTTTG
CTCTTCGACTTTCTTTAACTTCTATAGGTCGTTGATTTATAGTTCAAACTTTTTGTAGTAGTATTATTGCATTA
AGTCATTGTGTTCCACCAACTTCTTCCATTTTAATCTTATTACGCCAATTTCTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4429 AY147681|Muilla maritima photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II
CP43 protein (psbC) genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

AGGGTACAACCTTTGTAACCTTCATGGTATACCCATGGATTGGCAAGTTCCTATTTGGAAGGATGCAACTTCTTA
ACCGCCGCGAGTTTCGACTCCTGCTAATAGTTTAGCCCACTCTTTGTTGTTACTATGGGGCCCTGAAGCACAAGG
AGATTTTACTCGTTGGTGTACGGCTGTGGTCTGTGGACTTTTGTGCTCTCCACGGTGCTTCGGACTAATAG
GTTTCATGTTACGTCGTAAACAACTTGCTCGATCTGTTCTTACAGCTGTCCACAATGCAATCGCATTCTCGGGCC
CAATTGCTGTTTTGTTTCTGTATTCTGATTTATCCACTAGGTCAGTCTGGTTGGTCTTTGCGCCTAGGGGGT
GTGTATACTATATATTTGATTTCATCCTATTTTCCAAGGGTTTCATAATTGGACATTGAACCCATTTTCATATGAT
GGGAGTTGCGGGTGTATTGGGCGCTGCTCTGCTATGCGCTATTCATGGTGCTACCGTAGAAAATACCTTATTT
GAGGATGGGGATGGTGCAAATACATTCGTCGTTTTAACCCAACTCAAGCTGAAGAACTTATTCAATGGTCA
CTGCTAACCGCTTTTGGTCCCAAATCTTTGGGGTTGCCCCCAATAAACGTTGGTTACATTTCTTTATGTTATT
TGTAACAGTGGTCAAAA

>trans_s_4430 NM_119463|Arabidopsis thaliana APM1 (AMINOPEPTIDASE M1); aminopeptidase
(APM1) mRNA, complete cds

CGCATTCTGAGTTCTTTGGCATCATGTCCAGATCCGAACATCATTCTTGAAGTTCTCAACTTTTTGTTATCGTCT
GAGGTTCTGAGTCAAGATGCTATTTTGGACTCGGTGTTAATTGGAAGGCACGTGAAACAGCTTGACTTGCC
TGAAGGCGAAGTGGGAAGAAATCTCGAAAATATTCGACTCTGGGTTTCTTATCGGACGCTTTGGCAGTGCCAC
TGTCTCTCCGTTTGCTTCATATGAAAAAGCTAAGGAAGTTGAGGAGTTCTTCGCAAGCCGTGTTAAGCCATCAA
TGGCCCGAACATTGAAGCAGAGCATCGAGCATGTTACATCAATTTGAGATGGGTTTCAGAGCGTCCAGAAAG
AGCGTGATCTTCCCAATGCTATAAACGAGCTAGCGTGAGGCGATATTAGGTTTTCTATATATGCAGCATCTTT
GGGAGATAAGGCTACCGGTAATGTAACCATTTATTCTGTTATATTTATGAATGTTCCAACCAAATTCCCCACCC
CCATAATAAGTAGGAACAATCATCGTCCCTTTCTTCGTCCTTTGTTTGCTTTGCCCTAGAAAATAGACTTCA
ATTTGGTCGCACTATTAATAAATTGAAGATAAGGCCATGATGTTTATTTGAGGTTAATTGTTGCTCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4431 FJ362596|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L27A (RPL27A) mRNA, complete cds

CGCTCGCCGCTCCCTCCGTCTCCGAAAACCTAATTCTTCTCTAGCCGACGAAATGACGACCCGCTTCAAGA
AGAACAGAAAGAAGCGCGGTACGTGAGCGCCGGGCATGGTCGTATCGGCAAGCACCGTAAGCATCCTGGT
GGTCGTGGTAACGCCGAGGTATGCACCACCACAGAATCTCTTCGACAAATACCATCCTGGTTACTTCGGTA
AAGTTGGTATGAGGTACTTCCACAAGCTCCGTAACAAATTCTATTGCCCCATTGTAAACGTCGACAAGCTCTGG
TCCCTCGTACCTCAGGAGGTCAAGGATAAGGCTTCAAGGATAATGTCCCTTTGATTGATGTTACTCAGTTTGG
GTATTTCAAAGTTTTGGGTAAAGGGGTTTTGCCTGAGAACCAGCCGTCGTTGTGAAAGCCAAGCTCATCTCG
AAAATCGCAGAGAAGAAGATCAAAGAAAATGGTGGTGCGGTTGTCCTTACGGCTTAGGTTTATTGGGTAACT
TTTAGGGCGTATTTGTTTTGAAATTAGTTTTGATATCGCTTGTGGCTTTATTGAAGTATTGGATTAATGTTAT

CAAACCTCGTGTTTCAATTTCTTCACTGTGAACTCAGTCCGATTTTGAATGTGTTTCTTGAATTATCATTTTTCT
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4432 NM_001057140|Oryza sativa Japonica Group Os03g0597200 (Os03g0597200)
mRNA, complete cds

CTATAATCCTGTCATTCAAGCATTGTTCAAACGGAACAGAACTCATGAAGCCATGAGACTTTTCAGAGAGATG
TTAGAGAAATCTGAACCCCCAGATGCAATAACATATAGGATTGTTTATCGTGGTCTCTGCAACGGCGGAGGGC
CGATTGGAGAAGCAGTGGACTTCACGGTCGAGATGATAGAGAGAGGAAACATACCAGAATACTCATCATTTG
TTATGTTGGCCGAAGGTCTCTATACTTTGTCCATGGATGACACCCTTTTAAAGCTTGTTGATATGATAATGGAG
AAAGCTAAGTTCAAAGAGAGGGAGATATCTACTATAAGGGGCTTTCTCAAATCCGAAAATTTCAGATGCAT
TGTCAACTCTTGAGGTATCTTGACGATATGTATCCAGAAGATCGTATCGAGGAAGATGAGAATGAATTGT
TGTTTTACTGCTCATGGAGGTATTTGTACGAACTAAAAACATTATGTTTTGTAAATGTAATTGGAAATTAGT
AGAAGTTTTAGAGGCCAATTTGCTGCCATTGCTATCATATCTAGCTGACTCCATGTAACCTTCCTATACTCTCC
ATCGAAGTTTAAAGTTAGATATTGATAGAAACATTTTATTTACTATAGTTATTCTAAAGGCTCTACTAATGGAA
GTTAAAATTTGATCAAAAAAAAAA

>trans_s_4433 XM_002879798|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata yippee family protein, mRNA

TCCACATTTCTTGTAACCTGCGACTAACCACAAGAAGATAGTCATGGGGAGGTTGTTGTTGTGAACCTTGAA
GGAAGGATCTATAGCTGCAAACACTGCCGAACCCATCTTGCTCTTTATGAGGACATAGTTTCCAAGACTTTCCA
AAGCAGACATGGAAAAGCTTACCTCTTCAATAAAGTAGTGAATGTTTCTGTTGGAGTGAAAGAAACGAGAAT
GATGATGACGGGAATGCATACTGTTGCTGATATCTTTGTGTTGGCTGTGGATCAATTGTGGGATGGACATAT
GAACTGCCTTTGAGAAAAATCAGAAATACAAAGAAGGAAAATCGGTACTGGAGCGGTTCAAGGTTTCAGGG
CCTGGTGAACCAAGTTATTGGGTTAGTCATACTCATAGTCATGAAACAGGCCATGGTGGAGGAAGTGATGCA
GATGAAGCTTGATGATGATGACGATGATGATGATGATATTATTATTCCAAGTGTATATACTACACATCCATCCA
ATGTTTCATATTCTTCAGCTCATTGTTCTTCAACTGTCATTCTCATTTTCAGCAAGCAAGCAGCTAAGTGTGCT
GTTTTGTAACAACACTCAAAACATTTCACTGTTTATTCTTCTTAACTTGATATTCAATATCACTTTGCAATAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4434 NM_001185296|Oryza sativa Japonica Group Os01g0206600 (Os01g0206600)
mRNA, complete cds

CTTCTTGATATTTTGACGAAACGTTATCCTAATTTTGCGAAGCTGAAATATCCGAAATTTTGACCTCTCTACTTT
CCTCTTGAGATCGCTGTGTAACGCCGACCACCTGAACTAAGAACCTAATGACCGGAGAAGAGGTTACTGGTCC
GGCGGGCCCTAAGATTCTCCGTCTCCTCTATTTGCGCGCGCCGGATTCAATTTGCAGCTTCGCCATAAACAAGT
GGCGGGAGATCGAGCGCAGTTCTCTGTTGCAACAACACCAGAAGCAGCGGTTGAATCATCAATTATCCGAAT
CTCGTAATGATACTGTGCAGAAAGTCGTCGAATGATCTCAGGGGTGGCTGCTCAAGGATCTTAAGATGCTTTC
AGCTCAACAGTTAAGTCCATCATTTTCAACCCGATTTCTTGTTATTGTTGAGAGTACATGTAGGATTATTGATGT
TTCTTAGCTATGCTGCTGGGTAGATTTTAGCCAAAATACCAAGAAAATGTTGCCTCTATCAATAGAACTGTTTC
TTCCTTTCATTCTAATCCAGCCATCTCTGTCTCTAATCTCTTTTATATGTACAAGTTCATCATGCTCTGATGG
AAACATTATTTTCAACTATCTGACAAAGCGTAACTTAGAAGAAATTTCTACCTTTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4435 AY108988|Zea mays PCO101387 mRNA sequence

ATTTCCGACCCTTTTATTTTCTTTTACAATTTTGACGAAAATCTGGTCCATTCTCTTCGTTTTCTTCATAGATT
TCTAATTAGGGCTCTGATCACATCCGTTTCTACATTCAATTTCAACATCGTCTAACCAGCAGTTTAGCCATGGTC

>trans_s_4436 EU295480|Hevea brasiliensis ATP synthase subunit H protein mRNA, complete cds

>trans_s_4437 AY380778|Lycopersicon esculentum Bax inhibitor (BI-1) mRNA, complete cds

>trans s_4438 AM265611|Beta vulgaris mRNA for B12D-like protein (b12D gene)

[illegible]

>trans_s_4439 NM_129496|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L35 (RPL35B) (AT2G39390)
mRNA, complete cds

GAAAACCCTAGTTTTCTCAGTAGCACCTCTCCACCACCTTCCATCTCTTCTAGGGTTTCGCCGACTCCAAGACC
GCACGATTAGAAATGGCGAGGATCAAGGTTGATGAGTTGAGGCAGAAATCGAAGGCGGATCTGTTGTTGCA
GCTTAAGGATCTTAAGGCGGAGCTTTCTCTCCTTCGTGTCGCCAAAGTTACCGGCGGTGCTCCGAACAAGCTA
TCCAAAATCAAGGTGGTGAGATTGTCGATTGCTCAAGTATTGACAGTAATATCTCAGAAGCAGAAGGCGGCG
TTGAGGGGAAGCTTACAAGAAGAAGAAGCTTCTGCCTCTTGATCTGCGCCAAAGAAGACCAGGGCCATTCTG
AGAAGGCTCACCAAGCACAGGCGTCTTTGAAAACCTGAGAGACAGAAGAAGAAAGAAATTGTACTTTCCGTTG
AGGAAGTATGCTATTAAGGTGTAGTGTTAAGTATTATATTGGGTAGTCCATTTTTATATGCAACGGCAAACCA
ATTTTGTTGGCAAGTTTTGTCTCGTAATCTTATGTCGGATACTCTTGAGGTATTTCTCCCCAAACCAAGGTGTTT
CATTTTCATTGACAATTATATATTTTCGACAGTTGATAGCCTTTTTTCTTGTTTATTGACTTGATCTTTTTCTGTCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4440 CP000581|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 1, complete sequence

ATCGCCATTTTCTTCGTTCTTCTCTTTTTTCTTCAAAGCTTGAAGTATGATAGTGGAGCTTCTTCAGTATATG
AAATCATCAATCACTTTGCTTCGAAAATTGCTTTGTTTTTCTCTGATTCAATTCGTTTCTTACCTTTGACAGT
GTCCTTTGTTTGAATTTTGAAGTTTTTGAAGTTTGGGGTTTGGTTTTTGAATTCATCTTAGTTCTCGTCTGG
GTTTTATCTGAAAACAGTTTTTGGGGATTGGGATTTTGTGCAACGGTTTTAGAGACATTATGAGTTTGCTTT
ACAGTACGAATTTCAAATTTCTCAACGACGAAATGAAGAAATACCCTGATTTTATGGATTGTGATTGACGAA
CAACCATCATTCTCAACAAAAACACAATAATTCTGGTGGTCTTATGCGTTATTGTTCTGCTCCGAACTCTCTGTT
TGCGAGCCTCGTCGATGGAAGTGAAGGTTTTAATTCCAGCAACAATGGCGGTGGGAGCCGTGAGGATTATCG
GTTTATTCGATCTTCTAGCCCTGAGGTGGAAGTTATTTGTGAGGTTTATGACGTCGTGTAATGGAAAATTCG
ATTCGGGATCTGGAGAGAGGACGGTGAAGGAAGAAACAGGGGAACCGGTTGACAACAAAATGGGTTCTGC
AATCAATCATCGTCAATGG

>trans_s_4441 GQ998768|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ribosomal
protein L2 (rpl2) gene, complete cds; chloroplast

ACCGCCCCCTAACCCCGACGTCTAGCTAATTGTCCCCCTTCCCAAGTGTGATTTCTATGTTATGTATGGCCGTGC
CTAAGGGCATATCGGTTGAAGTAGAAAGAAAGTTTGTGACCGACCCCCCTTCCCAACTGTACAAGCTTC
TTCCAAAGCATACGGCTTTCTGGATGTAGATGATGATATCTATACATATGGATCTTATATATATGGTACAATGA
AGTACCACATGAGTGGATATATAGGAATCCAAATCTGCCGAATCACTCATGTTATGATCTTCTACATCCTAGGT
CTTCCCGTTCTTCATCTGGCTTATGTTCTTCATGTAGCATTGACCGAATGACTCTATGAAATTACGTCGATA
CTTCCACATATTACGGGTAACGTAGGAGACATCTCTATTTTCCCTCGGGAATCCTTAGAATTACCACTGCTTA
GCTTTCAATTTGCCTCTGACCATCAAATGAAATGTGAATAACCCGTCCTCTCTTTGAAACAAGGGACGCTT
CTGGTTCTGTGGTGCTTGAAACAATTTAGTCTTCTCCATATTACTATATCTCTAGAGTCAATAATTTTATATGA
GGAATACTGAACTCAATCACTTGCTGCCGTTACTCTTCAGTTTTCTGTTGAGGTCTATCCTGTGGAGGTACTC
AAATTGGATCAGTGAT

>trans_s_4442 AJ011629|Arabidopsis thaliana (ecotype Columbia) mRNA for squamosa promoter
binding protein-like 1

CAGCTGGTTTAACCCCTCTTCACATTGCTTCTGGTAAAGATGATTCCGAGGACGTTCTTGATGCATTAACCAAT
GACCCGGGAATGGTGGGAATTGAGGCTTGGAAGAGTGCTCGAGATAGCACAGGCTCAACGCCAGAGGATTA
TGCCCGTTTACGTGGCCATTACTCTTATATTGCCTTGTCAGAGGAAAATCAACAAGAGATCTGCAGCTGGTC

>trans_s_4443 AY372537|Cucumis sativus ubiquitin extension protein mRNA, complete cds

>trans_s_4444 EU931215 |Rheum australe ribosomal protein L36 mRNA, complete cds

>trans s 4445 DQ482461|Cucumis sativus pathogen induced 4 protein (pi4) mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_4446 AF499717|Thellungiella halophila light regulated protein-like protein mRNA, complete cds

CTTATAAATCTGAATTCGACTCTAAAGATACATCCAAGCACCAACTTCGTGGCAGACCGAACCGAACCATTTGTT
CATCATGCAGTTGCAGGCAGCTCTTTCCATAGCACCTCCATCATGCTCCCTCCTCCACCAACAGCCAAATTAAT
GGCCTTCTCAATCCAACTAGGTCCCTGCCAAGGCAAAGCAAAGGCACCCTAAAAGCAAAGGCAAGTGCAGT
AGGACAAGAACCTTCAACTGTTGACTACAGCTCCATGTCCTCTGTTTTTCCAGCAGAGGCTTGTGACACTGTAG
GAGGTGAAGCTTGTGATGTGGAAATGTATCCTGAAGTAAACTAAAACCAGAGGCCAAAAAAGGGAGTAGT
GTTACAGAGCCAGTTGAGAGAGAGTATCTACAATATGACAGTCCCAAGACAGTCTTTCCGGCGGAGGCTTGT
GATGATTTGGGTGGTGGATTCTGTGATCCAGAGTATCAAAAAGGAGTTTACTAGAAAAAAAATCTTATTGGG
AATTAGTACATATAAACAAGGGTTGAGCCTAGAGTCAACTTTCAGTTGTTTTTTAATTTTCTTTTCTCCTTTGCT
CTCTTATGCCTGTAAATGATTAATTGACTACAAAGTTCTTCAATGCTGATCAATACTCGATATTCTGAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4447 AY781119|Gossypium hirsutum ethylene-responsive element binding protein ERF6 mRNA, complete cds

TAGAGAGAAAAATGTGCGGTGGTGCCATTATCTCTGATTTTATAGAAAAAAGGCGAACTTGTAAGCTTAACAA
TGAATCTCTTTGGTCCCATCGACCTTTCTCCGATCTCCTCGGCCTCAATTATCCTCTGTGAAAAGTCTGAGAA
GCCTAAGAAAAGAGACCGATCTACGGCGGCGGAGGCGGTGGCGGTGGAGAAGACTCGAAAAGTTCGGAAG
AATTTATACAGAGGAATCCGGCAACGGCCGTGGGGAAAATGGGCGGCGGAGATTCGGGACCCACGAAAGG
GAGTTCGAGTTTGGCTGGGCACTTTCAACACCGCCGAGGAAGCCGCCAGAGCCTACGATGAAGCTGCCAAAC
GGATCCGAGGAGTAAAGGCCAAGCTGAACTTTGCTCCGGCGCCGCGCTCGCCACGGCTCAGCCTCAAACCTC
CGGTGAAAAAGCAGTGCGTCCTCCCCGAGTTGACTCCGGGTGGCTTCAACACAACCGATTTCGCTCCGTGTAC
ACGTGCGGATAGTTCTGTGTACAGCGAGGAGCTGTACTACGGCGAGGAGTTGGCGAGTTAAGATCGTTCTT
GGGGCTGGATGGTGAGGAGCAACAACCGAGTCAACTCGGTGGAAATGGGGAGTTTGAACGAGTTGATTTGG
ATCTTTGGATGATGGACGACATGTCGTTGAATGAGG

>trans_s_4448 NM_001050710|Oryza sativa Japonica Group Os01g0736500 (Os01g0736500) mRNA, complete cds

CTCTACCGTTTCAATCCCTAAATTCTCCCTCTCTAACGCTAATAATTCCTCTTCTCCCAATTCTCTCGATCTCTCT
TCTCCGCTGTATTACCGTCGATAATTCCAACCTTCGGTCCTTTCAATTCGACAACGGCACCGTTGGTCTTGTGT
ATGGTGGAATGATTTTCGGGGAAGGAGTACTGGCGGTGGGAGAGCCGAGGCTAAGGGGAGTAAGAGGAT
GAATGTTACTGTGGAAGGTTCCGGCAAGAATGTCAGTGGTAGTAATGGGATTTTGAGTTTGAGTAGCTTTGT
GAAATTGAGAGGGAGAGTTCGTTTGATTCATGTGTTTAGACGGAGAGTTTCGTCGGAAATTAGTTGTTTCGATG
AATTTGGATTTGAATACTCATCAAATTCAACATAATTGGGTTTGTGAGTAGTGATCATCTGAATCGAAATCCAT
CAACCCCATAGACGAACCCTAATTAGTTCATTTTTTTTATTTTTTATTTTTGAAATTAGTTTATTATTTTACCTTTT
CGTTTTCTTTTACAATTTTGTGAGTTTCTTTCTTTTCTGAATACGACGATGTAAACATACATATACATATACA
TATACATATCTTGCCTAATTCTTCTCAATATATAATCATTCACTCTTCTTTCTTAGCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4449 FJ750846|Triticum aestivum cysteine proteinase (ATG4) mRNA, complete cds

TAAAGGTTTCAATGTTATTCAAGACTCGAAATACACCAGTGATGTTAATTGGGGTTGCATGCTAAGAAGCAGC
CAAATGCTTGTTCAGGCATTGCTTTTCATAGATTAGGAAGATCTTGGAGAAAGCCTTCGAGAAAGCCATT
TGATAAAGAATATGTTGAAATTTGCACCTTTTTGGTGACTCGGATACCTCGGCATTTTCGATTCAATCTTCT

>trans_s_4450 GU005024|Arabidopsis thaliana ecotype Ws-0 CDKB2-1 5' flanking region genomic sequence

>trans_s_4451 XM_002881606|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATEXO70H2, mRNA

>trans s_4452 EF437915|Macadamia integrifolia microsatellite MinuS0042 sequence

[illegible]

>trans_s_4453 AJ006943|*Spinacia oleracea* mRNA for phosphoribosyl pyrophosphate synthase, isozyme 4

ACTAACACTCTCTTTTGTTCCTCTCTCTCTCTCTTTCTGCTTTGAGTGAAAGCAGCTTTGTGGTGGAAGTTGA
AGTTGTGGGAATCAATGGCAAAGCCGCCGAAGAAGCACATCTTTCTCTTTACTGCGAGGAATGCGAAGAAGCT
TGCTCAAAAAGTTGCAGCTCAATCCGATTCCATCACCTTACAAACCATCAAATGGAGGACATTTGATGATGGTT
TTCCAAATATATACATTAACAATGCTCAAGAACTGCGCGGGAATCATGTAGCATTCTTGCATCGTTCAGCCAC
CAAGGAGCTATCTTTGAACAGATTTCAAGTCATATACAATCTCCCAAGGCTTTTGTGCTTCATTACAGTTGGTA
TTGCCTTTCTTTCCTACTGGCTCCTTTGAGCGAATGGAAGAAGAAGGGGATGTAGCAACAGCATTTACGATGG
CAAGGATCCTATCAAATATTCTATTTCAAGAGGTGGCCCAACAAGCGTAGTAATCTATGATATACATGCCTTG
CAGGAAAGATTTTACTTTGGGGATAATGTTTTGCCTTTGTTTGAACTGGAATTCCACTCCTGAAGCAACGCCT
ACACCAACTTCCTGATGCTGACGATGTAGTAATAGCATTTCTGATGATGGAGCTTGGAAGCGATTTACAAG
CTACTTGATCGTTATCCT

>trans_s_4454 BT024541|*Arabidopsis thaliana* At2g15000 mRNA, complete cds

ATTTGTAGCATTGAGTGGGAAAGAAAAGATTAGTAACGCCCGCCGCGCGCTCGTGAAACCCTCGTCTCCATC
TTCCTCCAATTTTCATCATCAAACTTAACCAACAACCTCATTGCTAACTAAAATGGCTTGGCGCTCTTCCGGA
TCTTTATCTCGCTCCCTCATTTCTCCCTTAGGGCTTCTTCTCTCCGATCAACTCCTTCTTCTCCTCGCTCCGCCC
CCCACCTCTCCCCTCTCGTCTGCCCTTCAATCTCGTCGCTTTTCTTTTCCCCTTCCAGGAACCTGGGAGAACTG
GGATGCACACATTCTCTCCTGCCCATGCTGGGTACTACCTGCTTGACATCCCACCTATGTGTTGACATGCGGGC
TTTTTGCGAGCTGTCTCATGGTACTTGAGTGATCTCCGGTAGATGCACACATGTGAGCAATTCTATGTGGGGT
GAAGTTGAGTAGAGAGAGAGAGAGGGAGAGAGAGGGAGTTTCTGGTAACTTTATTAGGTAGGCAGATGTAATA
AAACAATTTCAAGCTGTTCAAGGCTTCAGTTTGCCAACGGATTCCCTAAAAATTATCAATTTTTTATGATTACTG
ACCTGATTTATTTCTTCTGGGCCTGAATTTGTGACTATACTCTCATGGCGGTTACTGGATTACAATTATGTTA
TGTAATTTTCTTC

>trans_s_4455 XM_002863141|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* kinase family protein, mRNA

GAGATTCGCTCTGCCGAATGATCTGTAATTTCCGCCATGAACCATGTGAGAGATCAACAACAAGAAATTCCTC
AATTACATTTTGGAAATTTGGAAGTGGTCACGGCTCTCGGCCGTGGAGCCAAAGGAGTCGTCTTCTTGGCTCG
AAATCCCGCGGAGGACGACGCCGAATGGTTGGCCTTGAAGGTGATTTGAGAGAGTTAATCGAGAGGAAGG
CCAAGATTGTCAATAACGATGGAGCTGAGTATCGGAGAGTTTGCTTTGAACGAGAAGTTTTGCGGCTTTTCCG
GCATCCGCTTTTGCCTCGATTGCGAGGAGTTTGGATACTCAGAAAGTTGTAGGCTACGCCATTGATTATTGTA
ATGGACGAGATCTTAATGCTCTTAGGAAGAAACAGACGGAAAAAATGTTCTCCGACGACGTTATTAGATTTTA
CGCCGCGGAAGTAGTCATGGCGTTGGAGTATGTACACAGTTTAGGAATAGTTTATAGAGATTTGAAGCCGGA
GAATGTCATGGTTCAACATAACGGCCATATAATGCTTGTGGATTTTGATCTCTCTACAAGACTCTCTCAAAAAT
CTCCAAGTCGTCTCCGTCGCCGCGTGGAGGTTTTGGCGGAATCTAAATTTGTGAAAGAAGATAAGAACA
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4456 AY295341|*Cucumis sativus* poly(A)-binding protein C-terminal interacting protein 6 mRNA, complete cds

ATCCTCATCCCTCATCGACCTTCAAATTAACCAACCAACCCAGTGGCTATGGATGTTGTCACTCAAAGAACTC
CTCTTCTCCGTTTCCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTTGTTGTTCCCATGGCGTATAGGACGGTCGAGGATTT
CTCCGACCAAGTGGTGGGAGCTCATCCAGTCTCCCTGTTCCGTGAGTACTGGCTTCAAGAACGCTTTCAA
GATCCTCAAAATGAACCTCCGTTTGGTGAAAATGAAGAATTCGTCCTTCCGGATCTTGAAAGTTTCTTCGATGA

CTTCACTCGTCAACAGGAAGAGGAAGAATTGGAATTCTCGAAAGACTTAGTTCCAATGGGAGCTTTCAAATGG
CAGAAGGCTCGGTCTGGAGCGGAGGTTCTAAGTATGCTCAAAAGGCTCCCAAGATCGTGAACGTGAAAGTG
AGTCCGAGAACGATTCACCAACCGAGATAGATTTTACGCGCCCAATCGAGTACGTTTCTTCATCAGAACTCAA
GAACCAAGTTTGAATTGTTGTTGATCTAGGGTTTTCCACCCTTCCCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTAAAGAACAGAGTCTAAACTTGATCTGTTACATATTAECTCTGAAGAAACCGTGCTTAGTTCTTGTAATTT
TAAACCAAGTCTTACTT

>trans_s_4457 FJ899660|Jatropha curcas membrane protein mRNA, complete cds

AGCCACGAAACAAAAATCCTGTTTGTTTCATTGATAAATCTCAAGAATTCTTGGAATCTGAAGAATTCGTCTC
CATTTTTCTGATCCAAATCTCATTTGCGCCTCCCGGATCATCCTCTCAAAAATGACGACATCGCGGCGTCTTGCG
GATCGGAAGGTGGAGAGGTTTGAGAAGAACATTTTGAAGAGAGGGGCTGTGCCTGAGACTGCTACTAAGAA
GGGAAAAGATTACCCTGTTGGCCCTATTCTTCTTGATTCTTCGTTTTTGTGTCATTGGATCATCTCTGTTTCA
GATAATCAGGACGGCAACAGGTGGAGGAATGGGATGAGAGCCATCTTCAATTCTGATGAGAGGGGTAGCAG
GCAGAACATGAGGTTAAACTTATTGAGTTAATTTGTTTGTACTATCTGTTCTCTGCCTATTTGTCCTATCCTCT
AGGAGAAGTTTAGAAAGTAAAGAGTAAGTAAGACCATTTATGGTCATCCTGTGAATTACTCTTATTAAAAAA
AAAAAGTAATTTAAATAACAGTGCACATGCCTAAGTGCTATGCTATATGCTATATCCTATATCTAATCGTTTTGT
TCATTGTTTCATGTCATGATCTCTCAACTCTTAGGTGCACTTCCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4458 XM_002870153|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At4g15930, mRNA

ATCCTCTCAGATTCTGAGAGAACTCACGAGCTTTCCTTACAATTTCCACTCAAATCGATGAACTAATTCCAAATT
TCTCCGAACAACAACAACTACTCGAACAGATTGTTTCCTCATATACCGTCGGTTCGAACCCGCACCGGAGATC
AGCAGAAAGAAAAAAAAAATGAGTAACGATGCTAAGAGAAGCATTCAAGGGAATCTAATGGTGAAATCTGT
GTCGGAAGATCGGAAACCACCGGCTGTGACGGCTACTGGGAAGAAAATTGTTATCAAGAGTGCTGATATGTT
TGGTGATGTGCAGAAAGAGGCTATCGATGTCGCCATAGCTGCATTTGAAAAGCATAGTGTAGAGAAGGATAT
AGCAGAGTGTATTAAGAAAGAGTTTGATAAGAGACATGGACCGACCTGGCACTGCATTGTTGGCCGTAATTTT
GGTTCGTACGTGACACACGAGACAAACCACTTTGTTTACTTCTACTTGGATCAGAAAGCAGTTTTGTTGTTTAA
ATCTGGTTGATAAACATGTATATTATGCAGATTAATGAATCTTATTAECTGATTTTATGATCATCGCAGTTTAAT
CAAATGATGATATCCTTTGTGGACAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4459 AB063192|Cucumis melo CmEIL2 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

CTCCAAGTCGACGATAATTTGTATTGTCAAGCCACAATGGTGGGAAATACTATGCCAATTCAGCAGCACCCCTG
ATTTTTCTTCCAACAAACATCCATTTGACGAATACAAGGCAGCGTTCGATTCTCCATTTGGCATGTATCCCAACG
ATAACATCTCCGACTTCAGATTCGGTTCTCCATTTAACTTGGCATCAATCGATTATGCAGCAGCAGACACACAA
TTGCCCAAACAAGATACACCCTTGTTGGTACCTTTGACCCAAAAATACAACCTTTTCGGCATTGATTGCTAGCTC
CATCCGATGATCTGAAGTAAATATATTTTCAGAGGGAGGGGGAGGAAGAACATCTTCATGCCCTAAAGAAGG
TGAAACTTCTTCTAAATATCTAAATGCCTAGTTGTATACTATATATAAATACACATAAATATATACATATAA
TGATAATGTGTGTTGCGTAATTAGGATGGTTCTGCAGCTACATACATTAAGATGTTTTTACATAATGTAGGA
TATATAATGGGCTACTGAGTGTAGTAGTGAAGTAAAGTAAAAACAAAGTGAGTCTCACTAATTGAGGATTCTT
AAAGCTCTCAATTATTAGTGTATTTCTGGAAACTTAAAAAGATAAAAAGGATATTAATTAATAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4460 L31374|Sinapis alba RNA-binding protein homologue (grp1a) mRNA, complete cds

AACCAAGCAGTTCCTTCCGACCATCTTTTGAGAGTCCTAACACAAAAAGCTTCAACTTTTATTACATCAATGGC
ATACCAACAATGCACCAAGCCAGCTGATCATGCGCATGGCCAGCACCAGCAGAAGCACGACCAACAACATGA
TCACCATTGCTTCGGCGGCCATGTCTCCGACAAGATCAAGGGCGTCTTCGTCAAAGGCCACCATCACGACCAG
GCTCATCCGGCATCGGGCGCAGTGCACCACTCTGCCAACGACAGCCACTGCAAGGGAAGTGGGTCAAAGAAG
AAGAAGGAACACCAAGTGAAAAAGGAAGGAGTTTGTTCATAAGATCAAGGAAGCCTTTTCTGACCATAGC
AGTGATAGTAGTGACAGTGAAAATGAATGTCACAAACCACATCACAATAAAAAAGAAATGAAGGGAGAGAAG
GAAGGTGAATCGATTGAAGGAACAGTGCGGCTGCCTCTAAACTAGCTGCTACTACTACTATGAATTTGCGTAA
AGCAGAAATAAAGATACACAATGTTGGATAAAGATAATAATTTATGAGACTACTGTACCTATTTCTTTCTTGTT
TAAAATAAAACTTCTGTATTCTACCCTCCTTATCGATATAAAAAGTACATGCTATCCGACACACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4461 FJ708796|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

ATCCTAAGGTTGCAGATTCGGCATTGCTAAGGTTTTGCAAGCTAGAACCGGCAAGGATTCTACTACTACCGTC
ATCGCTGGAACCTACGGCTATCTCGCTCCTGAGTACGCATATTCATCGAAGGCCACAACAAAGTGTGACGTGT
ATAGCTTTGGGATCGTGTTGATGGAGTTAATAACGGGGAAGAAGCCAGTGGAGGCGGAGTTTGGAGAGAAC
AAGAACATCATATATTGGGTATCAAACAAAGTAGACACAAAGGAAGGAGCAATGGAAGTGTTAGACAAAAG
GGTTTCATGTTCAATCAAAGATGAGATGATTGAAGTTCTAAGGATTGCAATTCGTTGTACATACAAGAATCCAG
CCCTTAGACCCACCATGAAAGAAGTGGTTCAACTATTGATTGAAGCTGACCCTTGCAAATTCGATTCCCATAAC
AAATCCTCCAAACACACCACCACCAAAATCAACAACCCATTTGACCTATGAGAGATCTATACCCTTTTTTCCCCT
TAACCAACCCTACTAATTAATCCTCAACTCAATGCTATATACCATCTTTATATTTATACACACACATATATATATA
CATATATGTGCCAAAACTCGTGTAGATATTCTATGTCTTACGTTTGCTATCACTTTTAAGTTCCTTTAAATGAC
TGGTATCAGCGTTTATCTTT

>trans_s_4462 NM_001066213|Oryza sativa Japonica Group Os07g0490800 (Os07g0490800)
mRNA, partial cds

TGTTTCTTTTGTAGTGGAATAATGAATTTAGAACGAAATTACACCATCCATGGTTAAAACATTGAAATAAAACCC
GCTGACTCTTTACTCGAATACTGGGATATATTTGTGATGTGTCTTACTTACATTGTGGCAGAAGTTACAACT
GTAAGCAGGCCAACATTGACATCCGAGAGCATGAGGAGATCTACTCTGAACCTGGTGGAGTAATGGACTATG
AAGAAGATCGTAGTCGACCAAAGAGGAGACGACATCCAATTTCTTAGAGATATGCATGTGGGAGTTGAAGAA
CAAAACCAACCTCCAATCAGACGGGTGTCGAAACAACTGCCTATTTTTGTTGGTGGCAAGAAAAAGAAAAGG
AAGTAAAAGAATTAACAGATGTTGATTTTTGGATTTGGAGAAAGATGATCTGTCTGAGCCCTTCTCTTAGAA
CCATGAACATGTTGCTTTAGGTTCTTGTCTCATAACAATAGCTTGTCTTTAAATTCAATTTAATTTTTATTGAGTT
TATTAGAGAACCAACAATCATAGAAACGCTGCCCATTTTTCATACACTTCATGTTATCTTCGTGTATGCATTGG
TAGGGTTGGAATCTATTCTATGTTCTGGTTTTTCATAGGGATCATTTGGTAACATTACTGATTCTTGTTTTAG
TTTAGTGTTTAATAATCCT

>trans_s_4463 AY271665|Gossypium barbadense fiber protein Fb15 mRNA, complete cds

CAGGGCTAGGGTTTGAGATTTTGTGCAAATTATTCAGAGATGGCAATGAAGCAATTCTTCTCCGAAATCAAGG
GCTTGAAAGTTAAGGAGCTGCCTGCCTATGTGAAACCGATGCTCTCCATTGATGCTGCCAAGAAGGTTGTGCA
GAGAAGTCTCGACAATTACCATGCCAAGTACATTCAAAGTAGTTCAATTGATCCTCTCTTCATGTCTGCTTTGG
TGGTATGATCTTTTCGTACCTCGTTGCGCTTCTGAGGAACGACGCCACCTGAACATCAGCAACACGCCAAAG
AACATGGTGGCCATTGATTGAGTTCTTTATATTTTGAGGGTGAAGGTGCCTCAAAGGTGTTTCTGGTCAATAAT
TTGTTTCCCGAATGTTTTTGTATCTTAGTCTTACTGGCAGAACTTGCAATTCTTTTCTTTTATACATGGTGCCAG

AGGAAATAAACGTACTTTTCGGTGATGTCTAATCATATCATTATGGCAACCATTGTTGAGTCGCAGCACACGT
TCATGGCTGGTTTATTTACTTTATTGCACATTATCCTTCTCCATACTTGTTTCTCTAGATAGTTCTTTCCCAATGG
CCTATAATACTATTGCTGCAGACTTCAAATGCAAATTGATTGTCTTTCATAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4464 NM_001051115|Oryza sativa Japonica Group Os01g0810000 (Os01g0810000)
mRNA, complete cds

TCTTGACAATCAGTCATCAAATAAGCATCTTTACTTTGCTGAAGACAGGGAGGAAGCCAAAGAAATTTTATCTC
ATTCTTCTAAAGGATTGGTGGCATCATCTGAGGCAGCTCCTGATAGTATTAGAAGGAAAACCGTTGCTTCTTAC
AAAGAATTGGAGGCAAGGAGGAGTAGAGTAAGTGAAGTAGAGAACTTTATATGGATATGACACTACAACA
AGAATTAAGGAAAAAGGGTCGCAAACGTAACTCCGAGAAGATGAAGTCGCAATCCAATTGCAAACTGT
ATATAAGTGGCGGGCAGAACGAAAGCGCTAAAGGTTTAACTTTTGTATCCATACGAAGTTTGATTATTCT
AAAAAGAATTGCTATATTTAGACAATATCAGATTTTCAAGTTTGTAAAAGTTTGTCTTTGATGTTGCTTTGC
GATTGGCCATTGCTCAGGAAAGAGATTAAGGTGTATTTGAATGACTGTTGAATAGTGTTTTTCAACAATGTC
AATCTTCGTATAACCTTTTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCGCCCGGCCCGGAA
AACCTAACCAACCCGCCACCCCGG

>trans_s_4465 AJ251052|Avena fatua mRNA for VIP3 protein (vip3 gene)

ACTACGAGGGATTGATTGTTGCAACATGCAGCAGGGCGGAGGATCTGAGTCGGAGGTCACGTGGGAGGAC
CAACAAAACATTAACAAATTTAGTCGGTTGAACAATCGGTTCCACGAGCTTGAAGATGAGATTAGAACTGCCA
AGGAAACAAATGATAATCTAGAGGATGCAAGTAATGAGTTGATTCTCAGTGATGACGATGTGATTCGTTTCCA
AATTGGGGAAGTTTTTGGCCATATACCGAAGGAAGAAGTTGAAGGCAGGTTGGAACAAATGAAAGAGGAAA
ATGTTGAGCACTTGAAGAACTTGAGGAAGAAAAGGATTCTATAGTGGCCAGATGGCTGAGTTGAAGAAAA
TTCTGTACGGGAAGTTCAAAGATTCCATTAATCTAGAAGACGATTGATTAATACAGATGAGATTTTTCTGAAGC
TGTTTTGATTCTATGTTCTTAGGATCTTGATGTTGTATTTCTCTCATGTGGTCCATGTAGTCTTGGAATGCTCTG
GAATTTGAGTTGAGAAAGTGACTTGATAGTTTATTCAAGATCAATAGATGTTTATGGTACTGTTTTGTCTCTA
ATATACATGAATATCTAGTGTTCTTGACTAGTCTTGTTTAAATTGATGGATTCACTAATTTGGTTGCGAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4466 XM_002325154|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T2.1), mRNA

TACTCACCATGAAAAAATCAGGAATGAAGAACAAAACAAGGGTTGTGAATGAGTGCTTAAATCCCATATGGA
ATCAAACTTTTGACTTTGTTGTTGAAGATGGATTGCATGATATGCTTATTGTTGAAGTTTGGGATCATGACACT
TTTGAAAGGATTATATGGGAAGATGCATTTTGACACTTACAAGAGTAATATTAGAAGGGGAATACAAGGAA
TCGTTTGAAGTCGATGGAGCCAAGTCGGGGAGGTTAAATTTACACCTCAAGTGGATGCCCCAACCAATCTACC
GCGATACCTAACAAATTTTCAGAACTGTAAACCAGTAAGTTGAGGGTTGTACAACACCTACTTTTCTAAGCAGAC
GAGATGAATAATGAAGTCTCACATCTTTTATCTGTGAGAGAAACGACCTGAAGATTGTATATATAATTGTTCCA
TATCACTTTGGAATATGCACAGACCACTCAAATATGAAGAGAGGGATTTTACGAGCAGAGCAAATGAAGGA
AATGCCATTTACTTTCAATTCCTTAAAGTGTGATTTTTTTTTTTGGGAGAATATGAAAGAAAGCCTGTTTGGCT
GCAAATTCTGAAACGTTTATATATGTACTTATTATATTTGTCTTAGTCAAATATCTCATTCTCGAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4467 AB182918|Citrullus lanatus CLMT2 mRNA for type-2 metallothionein, complete cds

TGGTTC AATCGCGATAAGTTATACTCTGATTACCAAACAACTTTCAATTCTTTTTGTTCTTCGTTGTTCAATTGTC
GAAAATGTCTTGCTGTGGTGGAACTGTGGATGCGGCTCTGCCTGCAAGTGCGGAAATGGCTGTGGAGGATG
CAAGAGTTTCCCTGACTTGAGCTTCTCAGAGACCACTGCTACGATCGAGACTTTCGTAGTCGGTTTCGCACCTC
AGAAGATGTCCTACGAGGTAGCAGAGATGGGAGCCGAGAACGGCTGCAAGTGCGGTGACAACTGCACCTGC
GATCCATGCACCTGTAAATAAATGAGCAGCAGCAGCAGCAAAAACAGCTCGAATCTTCTTAAGTGGAGATTGT
GTTTCGAGTACTAATAGTATGCATCCTTCTTAATAACAATTATAAAACCTCCAAGCGTTTTCGTTCTCTGTTGTGT
TGCGTCTTTTTAAGTGTGCGATTGTAGCGTTCGGTTGAATAATAGCAGTCATGGAGTTGTGGAAAACTTTATAT
GCTGTTATAAGGTTCAAGTCGGTGATATTTTAGCTCTTAAATCCCGTTCATCCATGTCTGTTTAGTATTTGCTT
CGCTCTCTGTAAGAAATTTAAGAAATAGTATTTGCTAATTTGTGAGAAGTTACAGAGTTTCTTTCATCATCAATA
GCTAAGTCTACGGGCA

>trans_s_4468 NM_120270|Arabidopsis thaliana STN8; kinase/ protein kinase (STN8) mRNA,
complete cds

TCAGATAAAGATCATAGATTTTCGGGGCAGCCACCGACCTCCGAATTGGGAAGAACTATGTACCGAATCGTGCT
TTGCTGGATCCTGATTATTGTCCCCCTGAACCTTACGTGATGCCTGAAGAAACACCTAGCCCTCCTCCAGCTCCC
ATTGCAACACTCCTTCTCTATACTCTGACAGCTGAACAACCTGATTTGTTTCGACATGTATTCTGCTGGCATC
GTGCTTATGCAAATGGCAGTACCAAACCTTGAGGAGTAGTGCTGGGTTGAAGAATTTCAATATGGAAATTAAG
AACTACGGATATGATTTGAATAAATGGAGGGAGAAAACAAGAACAAAGCCCCGATTTAACAATACTCGATCTC
GACTCAGGGAGAGGGTGGGATCTCGTAACGAAGCTTGTTACAGAGAGAAGGGGGCGTTTATCGGCTTCTGCT
GCACTGAGGCACCTTATTTCTTGTTGGGGAGTGATCAGGCAGCTGCAGTTATTTCTAACTAACTTAGTCAA
GAAATGAGGTTGGAGGAGGAATGTAAGTAGAAATTTATAATGCATTTATCATCACCATATGGGTTATTTTAT
TAAATTTTCATGGGACAATGATGGTCCCTTTGGAAGATAAACTTTAAGGGAATGTATTTAATGTTAAATTTTGA
CTTCGATATAAAAAAATATCA

>trans_s_4469 BT004743|Arabidopsis thaliana At3g49100 gene, complete cds

GAAACTCCTTATTTGTGCTCCTCTCGCATCGCGCTCGAAACCAAGCTTCTCAAGCTCGCTAAAATCCCAAGCT
CTCCCTCTCTCCGTTCTGCCCCGAGCCATGGTTTACATAGCTTCATGGGATGAATTCGTCGAGCGTTCTGTC
CAATTGTTCCGTTCCGATCCCACCTCCACGAGGTATAACATAAAGTATCGACACTGCGATGGGAACTGGTTCT
TAAAGTCACCGATAACCGTGAGTGTCTTAAGTTCAAGACTGACCAGGCACAGGATGCTAAGAAGATGGAAAA
GCTCAACAACATATTCTTCACTCTGATGGCCCGGGGCCCTGATGTGGATATATCAGAAGTGACAGGCAAGGAC
CAGGTTGATGCACAGCCAACCAAGAAGGGAAGGGGGAGGAAGCAATGACTTCACATTGGCTACTGCACGAA
TAGGTTTCTCGTACTTCTCTAAACCCATTGATGAATTATAATGTTTATTTACTAATTATTTAGTTAATCTTCTCGT
CTTACTTTTTCCAGAATAGATTATTTAAAGTCCTGGAGTAACTGACCATATGTTGTCCCGTTTTTCTTAAAAAA
TTTTGGTGTGAGTTCAACTGTAATACATAGTTTTTCTTAAACATTTTCACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4470 XM_002891468|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1273, mRNA

AAAATTTGTGTATCCTTCATCGAAAGCTTCAATTGAGGTCCAACCTATGGCGACCCACCTGCTTCTCCGCCCACT
CACTTTCAAACCTTCATTAATAATGGCCCTTCACGCCCCGTTTCTTCTAGCTCCCAGTTGTCGGTCTCCAGAATGC
AGCCACATAGTGAGTTTAAAACACATAAAAGATTTTCAAGATGCTAGATCAGTGGTCTCTTGTGCTATGAATAT
GACTGCAGGACAGTCAGATGATTCAGGAAGGGTAAATTGGGATAGTTTGAAGAACAGGTAAAACAGCTTTG
GGATACTTCACCAGAGCCAGTGAAGTCTTCCCTTGGAAACGAGGCATTGGATAACTTCATCCAGCTTATTGCTG
ACCTCATCTTGACGGTTATCAAGTACTTGTCTGTACCATTACTCCTCGTAACCTCCCTTAGCGAGATGTCTTACT
GTGCTCATGAAAAGAAGCTTCTTATTGTCCCATTTCATTTATAATTGGCTTCTCCGTTGCTGAGGTCATGAGAC

AGACAGCTTTAAGTCTATCTCCAATTCTTAAGGATCTAGAAGTACCTTGGCATTGATCACAATTGCAATATTCT
TCACCCTCATTAAGTACCCGACCATACTTTCCATATTGGGGTCGCATATTCATTCTCATTGGCAAATGGAG
GTTTGGTCAGA

>trans_s_4471 BT015646|Arabidopsis thaliana At4g32080 gene, complete cds

AAGCAAACAATTTTCCTTCACCTATGATCAACCTCTCCACCATGATTGCTGCAATCATCATCCTACTCCTAAGTTT
CATCAACGAAGGGTGTGCTGCTGGAAGCTGCAGTTTGGACACCATTAAACATAGGAACACAGAGAAGCGGAA
GGGAGATTGGGGGGCAACCTGAATGGAACGTTCAAGTGATCAACAACCTGCGATTGTCCTCAGAAGCAGATTA
TCTTGCTCTGCCAAGGGTTTCAGACTATTGAACCGTTGATCCATCGATTCTGTCAAAGCAAAGGGACAATTGC
CTTCTCATAAATGGCGGAATTGTACAGCCTGGTTCTTCGGTTTCATTTTCTATGCTTGGGATCCCCCTGTCATC
ATGCTCCCTCGTTTCTCTGTTTCTCTGTCCAACCTGAACCACTAAACACTTCCAAAAAAATCGTTAATATTA
AAGTTAGGGGGAAAATTTGAAAAATAATCGTTCCTTTGTATGAAAAAGATTGTAATCGATTATAGATGATG
CCTTAAGATCAATATATATCTTGAATTTGTTTCTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4472 BT025578|Arabidopsis thaliana At5g62575 mRNA, complete cds

AAACTTCTCTCTTCTCCTTCTCCCTTCTCCATTTCTACTCTTCCACAATGGCGTTTTCTCAACAAATCCACT
CTTGCTCTCATTTCGATCTCAATCTCAGGTGGATCCTTCTCACTTTCTTCTCGCCGTGGATTTCACGTGCAAC
CAGGGACTCGTGAAAAGGCTTTATTAGCTGAGGACCCTGTCTTAGGCGGTTAGATCACACAAGAAAGCCGT
CTCTCGACTCAAACTTTTCGGAGATGTTTTGACAATTGTGGTTATTGCAGGATGTTGCTATGAAATCTATGTGA
AAGCGACCATGCGACAAGAAGCTCGACAGGCAAAGACAGGTAGCGAAAGCACATGATGGAGTTTGTATCCAT
TGGCAATTAATAATGTCTGGCAAAGTCCTTAATGCTTGCATCTGTGTGCTAAATAAAGGTCGAGTTTTTTTTTT
TTCTTTTCTTGTAGGGTTTTATATCATCAATAATTTCTTTTGTACCCTTCATTTGTAACATCTTAAGGGGATA
TCAGAGTACGTTTACATCATTTTGAACACATTCTATGAAGCTTCCATTGCCTGCTTCAAAGCTTGAAATAGAACT
CGCATGGTCGGTGGGCGAATTTGCTTCGCTCGTTGATTTGTTGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_4473 AB017977|Arabidopsis thaliana mRNA for Aps2, partial cds

AACTCCCAACGCACATCACACGGATCCCACATCGCTTAATCCCCCTTTTCACTTTCCCGACAACGTCTTCCCT
TCAACCTCCCCTTAATTTCTCACTCCCTATATAAACCCCTTCTTCTCCCTTCCCCTTCTTCCCTCAAACCCCTC
CGGCACCGGCCATTCCCCACGCTCTTCTCCATGGACGACGCTTCTCAGATGCGTCTACCACGGCTGCATCG
CTGGCCCCGACGCCGGGATCGACCGCCGTCCTTACCATAAGAACTGCAGCTGCGCTCTTACGACCGAGATAA
TAGACGCTGTTCTATTCCTTGTCTAAACATAAGTCCGTCTCTACCCGATCAGACGAGCCTGGAGTGAGGGAT
GTTTGGCTATGGTTGCTGCTTCTGCGGCTTCTGGCGTTTCTTCTCCTTCTTCCGCTCCATGGATCAGGTCGAAA
GCCTTGGATCTTACAAGAGATGAGCCGATTGTCGTTCTGATTTTGTCTTATTCTTGTGTTTGTGATCTAAT
TTGATTTTAGTTTTGTAATATATATCTTATGTGGAATTCTTGATTGGAAAGAGTGAAGTGATGAATGTAGA
TTTAAATTACCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4474 XM_002877622|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata rab GTPase activator, mRNA

CAGCATGGACGAAATTATAAGGGAGTGCAACAGCATGGCCGGGCAACTTGATGTATGGAATTGTTGGACGA
TGCTCACGATTTGGTGGTGACCCTCCATGAGAAGATTGAAACTTCGTTAACGAGTAAGCGGTTGATTGTGTT
CGGTTGCTAATTTATGTGCAATTCTTCTGCCTGGATCCTTATCTCTCTAGGCTTCTGCTCCAAGGAAGTACATCT

CGGGGGTAACAACCAGCAGGATGTTTCTTTTGCTCACTTTCTTAATAGCTCACTCAAGCTCAATCAAGTTGTAG
TGACAGATTTTAATGATGAATCACTATATAATTGGCATTATATTGCATCCTCACCTTCATCTATTTCAATGGCTG
CCGTAGCATCAGTAAGACGGGAGTAGTGTATCGGGATGCACCAGTGAAATGATTTTTGAATACTAGAAAATG
TCTGCTTCTTGGTGTATCTTTAGGTGGAGTAATAATCATAACTTTTGTTCTCGATCCATGAGTTAATTTTTTTTT
GTTAACCTGGTTCATGTACCTCAAATATGCTTCCACTTGACAAAAATCTGTATTCAAGTGTTAGTAGGTTTTCT
TTTTCTTTTTCTTTACAACCTTCAGTTCAACAATACAATTGTGAGGTCGAGTGTAATAACAGTTAAGGATGCT
TGATCGTTGGAATT

>trans_s_4475 AY042844|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AGAATTATTCAGCCTACTGGTGTGCCTTCGAGTTCGTGTTTGGGGTTTTTCATTGTTACAGTCATCCCATGGCGC
CTTCAGCTCCGTCAAGCTCAACCCCTGAATTTCAAATGTCTAAAAAGCCACTTGGTTTCTATGCTAACGTACTAA
AACACAAGGATGGCCTCATTAGTTGTTGGCCATGACTGGTATTTTGCTTTAAGCTGTCGATCTTTGGGTCAG
AAGTACCGTATCAACAACCTTCAAGAAGACACTACGGCTCTCAAACAAGAACACGAAACCTTAGTCGACCGTA
TGAAGAACATCAAGCGCAGCCTCCTTCATGAGGCATCCCTCGAATCCACTGGCCTCTTGCATCCAGGCTTCGC
CTTCTCTTCAGCGATGAAGATTGATTGCTTTAAGTCTTCAATCTGTGAGTTTCGTAGTGTATTTCTTCATGCTTC
TGTACCCAATTGTTACTGGATTTTTGAAATTTCCATGCATTTTGTGTTGCAGTTTGTAATTCAGAATGCT
TGGTGAACTTTTTGTTTACTTGTTCTAATGCAATAAAGAGGTTAATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4476 AJ429636|Cornus mas chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene (partial) and
tRNA-Met gene

CGCGCCAATGTTTTTCAGAGAAGTACATCATGTAATCAAAAAAGTTGATCTTATTGAGAAATCGATGTCTTACT
CTATTACTTTTAGGGAACAAAACAAGAGAACAGTAGCCTGACAAAAAGTTCGGTCCGAATCGAGTGCCCCATT
TAGGCACTAAAAAATCCATCATTGATTGAGATATTGATAAGGTGAATACCCAGTCTATTCAATGCTAGGCAT
AATGAGTATCAGGACCTCACCTTTTTTGATCTTTGTCCTATCTTATGAACAACTTAAGGTGTATGAAGTTTCA
TATTTTATTCTTTAAGCAGAAGCAGGACGATAGAGATTCCATTTAACTTAAGTTGATCTAGGTGAGAAGCATA
CTACGTCAGGATAACCCCTTCTTTGAAAACTTTGGTAGTGCTCCGAGATTGGAATCAAAATAATGAATCAGA
GCACATGGAACCATCTCCCTTTCTTTCTGTCAAGAAAAAATATGGTAGACTAACTTATTATAACAGTTAATGA
AAGAGCCCAATGCAAAAAAATGCATGTTGGGTCTTTGAAACAGTTCAAATCATTTTGATAATAATAAGTTTGAT
CTGTTTTACCGAGAAGGTCTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCAAGCCTCTCCAGAGACGACTTAAATAC
GCGACAGGGTATTCG

>trans_s_4477 NM_001188370|Oryza sativa Japonica Group Os07g0620501 (Os07g0620501)
mRNA, complete cds

ATCTCGAAGAATTTGTCGTCGGATCGGATCTTCTCTTTCACTTCCTGTTTCTCTCTCAATCAATCAGATCGGAA
GGTACACTCCTCTTCTCTTTTCTTTCAATTTTTTATTCTAAGATCTTTTGCCAATCCTTCTTAGTTCCAGTAGTAG
GTAGATTCTCGTTTTCTTACCGAATTTTTGAATCGGTCTTCCGAACCGTATCATTAGTTTCTGAAGGATTTGAAA
ATATTCAGATTTCTGGAACGAAATTACTGTAATCGATTGAAGTTTTTAATTTGCGTTGTGTCATTATGGCGCAG
CGCAGATGATTGACGATCAGGAGTTAGGTTTTCTTGCCAATTTCTCGGCATTTTTATCTTTGCTTTAGTGATTG
CCTACCATTACGTTACGGCTGATCCGAAATATGAAGGCAACTGAGATGTCGTTGAATCAGATCCCTAGGTCAA
TCGGTAAAATGCATTACTGTTAGGTGTATACCGTTTTTTTATCTGTATGTTAGGTTTTCCCTTTTTTTTTTTGAG
GATTTTCTAATCAATGTAAGCAACCTTTTAACAATGAAATCGTAACTTATTCTCATGATTTTTTCATGGCTCTTTG

ATTGTGATCTCATATTAGTTATATGTATTTGATTGAGTTTCTCCCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4478 NM_001185624|Oryza sativa Japonica Group Os01g0730600 (Os01g0730600)
mRNA, complete cds

GGGCGTCGAATACAATACATCAATGGAAGGCCAGCAGGTTTTGAGAATTTGATTCTCTCTGGTTCTTCTCCA
CCGTATTCTCCAACAGGACGCCACCGGTCGTTGAAAAGCACATTCAAAACGACTTCGTTGAGCCTCTCGGAGA
AGAAATTGCGACACCCATCACTCGAAATGAGGAAAATGATGTTGGTGAAGAGAAGGAGATGGAAACAGAGG
AGATGGAAGAGAAGAGGAGAAAGAATAGAGGAAGGAGGAGTTGGGGTTTGAACAGAGGAGAAATTTGT
TGTTGGAGAGATAGATCTGAGTTATGCTGTGAAGGAGATTTGTGAATGTTGGTCTTTTGAAGAGATGAGGAT
TGGAGGTGGGAAGAAGACGAAGAAGATGCCATCATTTGAAGATAGTATGGCCATGAAAGAGCATATCAGAT
CTTGGGCTTATGCAGTGGCTTGCACTGTTAGATGATCACACTAATTTAACCATTGTTTTGTTTTATGATGTTTT
TTCTATGCGAATTTTGAATCAGATCTGTATTTTGTATGAATAAGTTTGTACGAATTTAGTTCTTAACTTTTCTAAA
AATAATGTAATCTCCGTTAACCTTCATTTTCTGAAATTTATTCACCTTGTTTTTTATTGTCTTGCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4479 Novel Gene

CCGATTGCCATATTTTCTTCTCCTTTTTATCTTTCGGATTCTACGGTTTTCGTTCATGTTAACCTACGCTTCTGTTT
CTTACTGTAAATCTGCTTTGATTCTTATTGTTCTGTAATCTTCACGCTGTTTCATACATATTATTCTTAATCTTGAAT
TCGGGTTTTGGTCTTTGATAATGTGTTCAAACGCGACGGGAAACTTCTGCGAGGAAGTCTCTTACTAAAAGGA
AGCAGACTAGTCCTATATCTGCAAAGTTCCGAGTAAACGTCGTACAAAAATTCCTAACGATGTTGATGGATTTTC
CTTTTAGGAATGTCTCCGTTGTGGGTGGTCTCATATTCCGTCGCCTTGTTGTCTCAACGTCGCTGCAATTACCA
CCTTGGACTIONGATGAGACAAACACTTTAATTTCTCTATTGTAATAATTTTGGTGATGTTGTGTTATTGATTG
TTTTATGTGACGGGGGATTATAGATCCAATCCTTACTAGATATGGAGCGAACGCGTTATGTTCTGATATTGC
CGGAGTTAACGTCACAAAGAAATTAGTCGATGTCGATGGCTCCTGTTTGGAGTCTCCATCGGCTGTTGTTATC
ATATTCCATTGCCTTGTTGGAGCAGCGTTGCTGCCTTACTACTTGGGACTGGCCATGAGACCTACATTATTATT
CTAATG

>trans_s_4480 AY104717|Zea mays PCO108839 mRNA sequence

ATCCTCCGCTTATGATCTCTGGACGGCGGCCGATTACCTCCCGCACCGATCGTGCTTGTTAGTTTTGAACTT
CCAATTTCTCTGTGTCATTGGGAAAGCCAGAAGAGAGAATGGCTACAAATAGCCTGAAGAGTATGATTGCCGC
AGCAGTCAGTAAGGGAGTGACAGAAGCAAGGGCAAGGATATTTGGTCACATACTTAACCCAACAGGTCAACG
ATCTACCCACAAGCTTCTGCGCAAAAACTCATTGGTGACAAAGTAGCACAGTGGTATCCGTATGACATCAAG
AAGGATGATCCTCTTGTCATGGCTCGCCTAGAACAAGAGCGCTTGTTCAAGCTTGAAATGCTAAAGCGTCGTG
GTAAGGGACCACCTAAGAAGGGCCAAGGCAGGCGTGCAGCCAAGCGCAACAAGTAGAGTCAATGACAGTGG
AATTGTTCTGCCAGTTATTTTTGTTGTTTTTTCTTAACAAAGTTTAGGTTATGGGCCAGTTTCCTCACGGTTGT
AATGACTTCTATTCATCATTATGATCAATCTTTCTACAAATGTGTTTGGTTCAAGAAAATTAATGCGTACTATA
CATGGAAAAGGCCAGAAATAAATTACATACAACGCTTAATCTGTGAATGAAAAGCATTGCTACAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4481 HM462002|Gossypium hirsutum MFP mRNA, complete cds

AGGTTGGAAATGATGGCGTTGCTTTGATCACCATGTCTAATCCTCCTGTTAACGCTCTAGCAAGAAGCATGTTT
CCTGCCATGAAGTCGAAATTTGAGGAGGCGATGAGGAGAAATGATGTGAAGGCTGTTGTTTTGACTGGCAAA
GGAGGAAGGTTCTCTGGTGGGTTTGACATCAATGTTTTTGAGATGATTCACAAGACTGGGGACACATCTCTCC

TACCTGATGTATCTGTTGATATTGCAGTCAACACAATGGAAGATGCCAAGAAGCCAATTGTTGCTGCTATCGA
AGGACTTGCTTTGGGGGGAGGGTTAGAGATGGCTTTGGCAAGCCATGCACGTATTGCTGTACCTAAAGTTCA
GCTTGGTTTACCAGAGTTGTCGCTTGGAGTAATTCCAGGGTTTGGAGGTACTCAACGACTTCCCAGACTTATA
GGTCTACCAAAAAGCTATAGAAATGATGCTGTTTTCCAAAACAATCACGTCTGAAGAAGGAGAGAAGCTTGGTC
TTATTGATGCTGTTGTCAGTCCAAATGAGTTGATGAAAGTAGCTAGAAAAGTGGGCATTGGATATTGCTGAAAG
ACGCAAACCATGGATTCTGACTCTTCATAGGACAGACAGAATTGGGTCCCTGGCTGAAGCTCGATCAGTGTTA
AAATCGGCTAGAGAGCAGGCAGA

>trans_s_4482 XM_002305440|Populus trichocarpa SAUR family protein (SAUR86), mRNA

AAATCACACTTTTCCTTCTTTTTCTTTTTCAATTTCTCTTCAATCAGTTTCAACCATTCTCCATTTTTTTTTTCT
CCTCAATGGGGTTTCGTCTTCCATCGTCTTTGATTCTCAGGCCAAGCAATTGCTGAGAAGAAGCTCCGGTAAT
CCATCGGCGGTTCCGAAAGGTCATGTAGCAGTGTACGTCGGAGAGTTTCAGAGGAAGCGATTGTGATTCCG
ATTCGTATTTGAATCATCTTTCGTTTCAACAATTGTTGAGTCGAGCGGAAGAAGAGTTTGGATTTGATCATCC
GGAAGGTGGTTGACGATTCTTGTGGTGAAGATGCATTTATCGACCTTACTTCAAGATTGCAAGCTTGTTAA
ATCCATGAAGAACTAGGAAGGAAGGATCTCGATTTTTGCCTTTGGCTTCTTCTTTCTTCTACTTCTTTTTTTT
TTTCTTTTTTTTTCTTTTGGGAATGGAGATGTTTCATGTGTTGTTGATGATTTTGCATTCTAACTGATGTTGGAAT
GTTGATGGAACCAATTACAATACAATGCTTTTGGGTGTTGTAATGAGTGGTGTGGAAGGAATTGGTGAA
CCCTTTTTCACCAGAAATTGTAATGCAAATACAACTTTTTTTCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAA

>trans_s_4483 XM_002316814|Populus trichocarpa Sec61 transport protein, mRNA

CACCATCAAGCTTAGCTGATATGGCAGCCAATCCCTTCCATGCTCTGTTTTATCTCGTCTTCATGCTATCAGCAT
GTGCACTCTTCTCTAAACTTGATTGAAGTTTCTGGTTCTCCGCCAGAGATGTGGCCAAGCAGTTGAAGGA
ACAACAAATGGTCATGCCTGGACACCGTGAATCTAACTTACAGAAAGAGTTGAACCGTTACATACCCACAGCG
GCAGCATTGCGAGGAATGTGCATTGGTGCCTGACCGTGTGGCTGATTTTCATGGGAGCAATTGGTTCTGGA
ACTGGAATTTTGCTTGCAGTGACAATTATTTATCAGTACTTCGAGACCTTCGAGAAGGAGAAAAGTCAGCGAAT
TGGGTCTGTTTGGTTTCTAAATTTTTTCAATTCGGTTTAAAGTTATAAACTTTTGGTGGTGCCAAAGAGCTCCCTG
TTAATTTTGGTGCCTTGGGATTTTACAAGCCTCTAATTGTATGAATATTTTAGATTAGAAACGTTACAAGTTTT
GAAGTAAAGTATAAAATTGATATATTTAGCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4484 EF108408|Strobilanthes formosanus 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATTCTTCTCTGAATTTTTCAAATATTTACTTACAAAATAGCCTTACCCACCAATCTCCATATATTCTATCAAAATT
CATATCTCCTCCCTCCTACCTACCTTCTTTTATCATATCCAAAACAAGTGACATTTTATTATCTCGTCTCTTGA
CCGAGACGTTTCTATTTGAACACGTCCCCAGTTTGCTGTTTGTGAGAGTCAGACACTCTGAAATCGCTCGAC
CTCGGCCTGCTTCGACTCGAAAAACACACCATTTGCCGTTCCGGCAAGCAGGTGCGGAAGCGTTGTTCTTGTG
TGTTCAATTTATCCCTTCACACTTCCCCCTCTCCCTCACTTTTCTTCTTCCAAATCCATTCCAACCTTTTCGCTTCC
ACCTATCATCATTATTCTCACTCTTATGTCTACTCTTCTGTTCTTATAGGATCTGAATGTTTTGAGTGTTTTCT
TTTCTTCTTTTTTTATTTTCTTTTACACTATGTTCTGTTTAGTGATACAAGTTATAGTATGTTTGTCAAACATTTA
ATTATCAAAGCAAAAGTTTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAACAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4485 XM_002867599|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA-binding protein cp31, mRNA

CAAGAGGTACAAGGCAAGAACGCCAACCTCGACCATTCCAACCTGCTTTCAGAATCTATGTGGGCAATCTTCC
ATGGGATGTAGACAATGCACGCTTGGAGCAGGTCTTTAGTGAACATGGTAAAGTAGTAGATGCTCGGGTTCT
TTACGACCGGGACAGTGGCCGTTCTCGTGGCTTTGGCTTTGTGACCATGGCTGATGAACTGGAATGAATGAT
GCCATTGCTGCTCTGGATGGACAGAGTCTAGAAGGAAGGGCAATCAGAGTAAATGTTGCTGAGGAAAGACC
AAGGCGCAACTTCTGAGCCGAACCATGATGAATCCAAAAGGCCTTTTCTTCTTTCTGTTCTATGTTCTTTTA
TTCCTTTTTTGTTCCTCCAGAAAGTATAGGTGAGTTTTGTAGTGCCATTGTTAGCCACCTTATTACAGTGAAT
TTGATGTCTTTTATGCTTCCTAAAATTTCAAGTCCTCTATTATTTTGGATAATGTACGAGTTACAAGTTTCGTGCC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAATACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAGTT
TATCATACCCTTCCACCCAG

>trans_s_4486 NM_001053747|Oryza sativa Japonica Group Os02g0575500 (Os02g0575500)
mRNA, complete cds

ATATTATATATCAACTCCATTCCGATGCCTGCCACTATTGCCTACATCTTTTGTGCCTTTTTTGGGTTTCAAGTAC
TCATCGGTCTTATCAAAGTCAAAGATTAGATGAACGGGAGAGGTTGATAACAGGAACCGCTTGAAAAATA
GGTTTCAGAGTCTTGATTTGCAGCAAATGGATCTACTTGAGTCCATCACCAAATAGTAGATAGAAAGCACTA
GTCTGGCAATGAGCCTGAGCCTGAGGTATACATCATCTAAAGATCTCAGATGATATGGGTTGAAACGTGACT
CGTGAGCACTTCTTCCAAGCTTGCTGAAATTAGAATTAATTTTCTCCATATGGTTGGTTAACAGCTCTGTTTCT
GAGTATTTTGAGATTGCCTCGTTGCTCTCCCCAGGTGTGTCGTCAAAGTCGCAGCAGTTATATTTTAAATTTA
AACAGCTAGTATAGAAATTGGAATGATGTATGTACCATTTTTATTTGAAATCGGAAATGTCGATATATTAAGC
AGAATGCTGCAGCATAGAGTTAGTTTCTTCCTTCGTTAATGTACATATGTAGATGCAAGAGATACATAATTC
GATTCCAGTCCCATTACCGGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4487 NM_100905|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR)
family protein (AT1G10310) mRNA, complete cds

AGAAGTCAAAGTTTTGGGAGATTCTCAAAGGAATTTGATTCAGTGATTGATACAAATATCAAAGGAACAGC
AAATGTACTTCGTCAATTCATTCTCCTATGATCGCAAGGGAGAAGAAAATTATTGTGAACATGTCTTCATTGT
GGGGAAGAATTGGGGCTCCTATGTTCTCACCGTATAGCGCATCAAAGTGGGGAATTGAGGGATTGACGAAGT
CGATTGCAGAAGAGCTGCCAAAGGGAATGGCTATTATTGCACTTCATCCTGGCATTGTAAACACTGACATGCT
CCGCACCGCCTTCGATGATTTGCGCTCTAATTACCAAAATCCTCAACAATGGGCTACGAAGGCAGCTTCTATGA
TTCTCAATCTTCAAGTGCTGATAATGGTGCATCTCTACTGTTGAGGATCCTGGAATCTTGTTAGGTGAAAT
CTCTTGATTTTCATCGAGAAATTATATATATTGTCCAAGAACTTTCTTATTAGTCTGTGTTTTTTTTTCTCCTT
TACTTATATTATGATATGTTTCGTTGTTGTTATAATAATTATAATTATAGTTATTATTATTTCTCTACTCCGAGAC
ATATTAATGTTGTGTGAGGAGAATATTCAACTATAACGTGGAAATTACTAATTTTAATGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4488 XM_002330426|Populus trichocarpa p-type ATPase transporter, mRNA

ATACATGGTAAGCATGATGCTTCAGGTGGCAACCTTCCGTAACTACATGGGTCATCCCTTTAACCAGAGTGT
ATCCGAAAACAAGCCGTTCTTGACGCCCTCTGGCTGCAGTTGGTTTTTACCGTTATTACCTCTGATTTGTT

TAGAGATCTCAATGACTGGCTGAACTTGTTCCATTGCCTGCGGGAATGAGGGATAAGCTTCTGGCTTGGGCA
CTTCTCATGTTCTTGTGCTGTTACTCTTGGGAAAGACCGTTGAGATTTATGTTCCCGGGTAAAATTCCAGCATG
GCGGAAGCGACAACGGCTGGTGGCTGCTAATCTGGAGAAGAAGAAACAGGTCTGAGTGAAGTTTTGGGTGG
AAAGCGCGGCGGAATCAACAATTGATGATAAGCAATGGGGATTGAGCCCATGTATTGTAGGAATAGAAGGA
ACTGATGATTTATATTTGCCACTGAGGCTTACTTGGTGGTGAATTTGTCAAATTACTTTATAAAATTTAGG
ATTAGACTTGCTATTTATGGGCAATCTTAGATTGACAACTATTGATTGATTGCTGTTTTCTAATCCAAGGGATG
TAAATGACGCAATTACTCATCGGTGCTTTATCCTAATTTAATGAAACGTTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4489 AB177845|Arabidopsis thaliana IRK1 mRNA for IRK-interacting protein, complete cds

CACCAAGATCGCCAAGCACAGTTCTCGTCATTTGTGGCGCTGCGAAATCTCAGCTGGAATGAAGTGTTAAGGA
AGGGAACAAAATACTACAGCGAAGAGTTCAGCAAGTTCTGTGATCAGAAGATGAGTTGCATAATCACAACCTCT
GAATTGGACCAGACCATGGCCAGAGCAACTGCTTCAAGCATTCTTTGTAGCAGGCAAATGCATTTGGCTGCTT
CACTTGCTCGCTTCTCGTTTCGATCCACCACTTAAATCCTTAGAGTGGAAGAGAACAGAAGCTTCGATTTCGAG
TTACATGGACGACGCGTTTGCAGAGAGGCAGAAAAATGGTCCGAGCCGGGTAAAGATCATGGTGATGCCAG
GGTTTTATGTACAAGAAAAAATTTAAGGTGTAAAGTAGTTTGCAAGTATAAGTCACCTTGCTTAAAGTGTTG
GGGGATTGTTCTTTAATGTCCTTTTTGTTGAGATTTCCCAAAGTTATTTAACATCTCAACTCAATTAGATGTTT
ATATGTTGGGTTTGTAAAGGTGATCATCTTATATACTTCTTCATATTCATGCCATCGAAGTTATTTGGACACTGC
ATTTTTCAAGCATAACCGGTAAGCTGTCATATATAAATTATATAAGAATAGAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4490 NM_125711|Arabidopsis thaliana BT1 (BTB AND TAZ DOMAIN PROTEIN 1); protein
binding / transcription regulator (BT1) mRNA, complete cds

AGGATGTGGGCGGTGTAAGCGCATGTGGCAGCTCCTAAAGCTCCACTCCTCCATATGCGACCACTCCGAGTGC
TGCAAAGTCCCTCTTTGCCGGAAGTTCAAACAGAGGTCGTGACGTCGCCGGACGAAAAACAACAGCGGAAG
GACGACGCACAGTGGAAGATGCTTGTTGAAAAGTGTTTCCGCAAAAGCAATTTCTTCTTTGTCTTTGACTAA
TAAGAAGCTGTCGGATTTGGAGGAGGATAGGATGATTGGACACCGTGGGATTGGGAGCTTTAGGTTACAATC
GGTTCGACGGTACAGGTCATGAGTATCATGATTCAAAGGTATATTCATGGCGTTGTGCAAAAATGTGTGTTTT
TGGGAATGGGGTGGTGAAAACTGGAAACAGGGGAATGTTTGATTTGTAAATTGTTTTTTTTTTCTTTCTATTT
TTTTTGTGGTTTGGAGCAGTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTTGGGAGTAGATGAAGGTTTATTAT
AATGCATGAATGAATGAATGCATTGTAAAAAAGAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAGGTAATTACTCTTAGAAAGA
AAGGATGTAAAAATCTTAAGTCTGTGTACCTCCTCCATCCATATATGCTAAAAATCATTGTTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4491 XM_002875601|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase, mRNA

AACCCCTCCTAGTTTGCTTAGACGACCTTCATTTCCGGCAAGAACGAGGCAAGTTGGGCAGCAAGATGTTCCA
GATGCAGTAAGTTCCGTGGAAAGGATTCGTCAAAAGGAAACACTTCAGAGGAGAGGACTTGCCATAAAGTG
CACAGTAGCCACCAAGATCATGTCGTGTCTGTGGAGTTAACAAAAGAGACACAACATATCTTTCAGAACCTT
GTTCTAAAGGAATGCAAACAGACAGTAGCAATTCTGTTTCATCTTCGGTGTGATTACAGGGATTTGAAATTTGT
GATGATGCAGCAACTCCATTTGCTGATATAGCCGAGCCAGTTTTTGACCATCAAAGTATTGAACATGATGAAA
TTGAAGAAATACATCCTCCTGTCTGCTCACCTTCTTTCAGTACGAGATGTCCGAACATAACCTATTAGAGGAC
AAGGGAAACCACGGAGTCTATGACAAACCAACAAATGCTCCTTTGAAATCTCCAGCGACATTGTTAATCTTC
ACGATACTGAAGTTGGTATTAAGAAAGAGAGTCCAGTGTGGAACCTCGATCTTCCACTGAGATCTGAAGGAA

GATTTGTCTTTAAAGACGATATACCCATAAACATGCCTACAAATGGTTCCAATATGGTATCAGAGCAAATTACA
ATCTCTTCGCATGGGGACG

>trans_s_4492 NM_127451|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT2G18940) mRNA, complete cds

AAGAGATCCTCAAGGGACTTATAAAATCTGGCGAAAACCCCGATCTTGTGTCTGATAACACCATAATCAAAGG
CTTCTGCCGACAAGGGCTCATGCAAGAAGCAATAAGAATTATGTCGGAGATGACAACCTCGAGGGATTGCGCC
TTGTATATTCACGTACAACACTTTTGTCTCGGGGTATGCAGGACGCAGAATGTTTGCGGAGGTAGATGAAGTC
ATAAGCTACATGATTGAGAACAAATTGCAAACCCAATGAACCTACTTACAAGATCATAGTGGATGGTTATTGTAA
AGCAAGAAAATATCAAGATGCTATGGATTTTGTCTTTGGGATCAAGAACATCGATGATTGTTTTGATAACCATT
CCACGCAAAGACTTGCTTCCCATGTAAGGGACATGATGAATACTTGATCTCTCTAGGTATTCTGCTTGTAATT
TCTTTGTTCAATTATAGAGATATATAATAATCATTACAAAACATCAAGCACCTTAGCAGCTCTTCTGTAACCTTTT
TCTGGTTGCTTGCTTGATGGTTCTGGTAGGAATATATGAGTTATTATGGATTCAATTTTCATGAAGTTTTGCAGCT
GTCTCAGTTTCAAAGATATCATTTATCAATGAATATAAATTATGGTTGTAGCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4493 EU170654|Prosopis juliflora chloroplast photosystem II PsbR (PsbR) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AAAGAAGAAGAAGAAGTAGAAGAAGAAGAAGCTTATCGATCGGAAATGGCGGCCTCAGTGATGACCTCAGT
GAGTCTTAAACCAGCTCCCTTCACCGTCGAGAAATCGGCGAGAGGTCTTCCATCTCTGGCGAGAAACTCCGCC
TCCTTCAAGGTCGTCGCCAGTGGTGGGAAGAAGATCAAGACCGACAAACCATACGGAATCAATGGTTGATG
AATTTGAGGGATGGAGTTGATGCATCGGGAAGGAAGCCCAAGGGAAAGGGAGTGACCAATTTGTCGACAA
GTACGGAGCCAATGTCGATGGTTACAGTCCCATCTACGATACCAAAGACTGGTCTCCAAGTGGTATGTCTAT
GTTGGTGGTACTACTGGGTTAGCCATTTGGGCAGTGACTTTGGCTGGTCTTCTTGCTGGAGGTGCTCTTCTGT
GTACAACACCAGTGCTTTGGTGCAGTAAGGTGGAGGGAAAGTTAAAAGTCTTGTTTTTCTTCACATTAGTTTT
TGTAGCATGTTATTATTATGAACATACATTATTATTAAGAAATTCTGTGTGTAATTATCTGGATAAATTGCTTCAT
AAATGCTTGGTAAGATAATTCTTCTCGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4494 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TACGTGATGATTTTATTGAAAAAGACCGAAGCCGCGGTATTTATTTCACTCAAGATTGGGTTTCTTTACCAGGT
GTTCTGCCTCGATACTGACGTGCAAATCGTTCGTCTGACTTGGGTATAGGGGCGAAAGACTAATCGAACCGTC
TAGTAGCTGGTTCCTTTACTGATCTCATCTTTTACGGAATCGATCCCCCTTTTGAAGTGTACAAGAATATGTGGA
GCTCGGCATGTCTGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATCACCAACATTGATACTGGGTCAATC
ATAGCATTACTATACCTTCTCTATTTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTGAGCACGGGTTTAGCTTACGATACCTTTG
GAAGCCCTCGTCCAAATGAGTATTTTACAGAGAGCCGACAAGGAATTCCATTAATAACTGGCCGTTTTGTAAG
AACTTTGGAACAACTCGATGAATTTAGTAGATCTTTTATAGGAGGACCAAATGACTATCGATAAACTTATCCT
ATTTTACAGTGCGATGGTTAAAGAAGAGGGAGGACTACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTC
GCATCGATGAAGAACGATCCCTTCCAAGCTAACGATGCGGGTTCGATTCCCGCTATCCGCTCCATCTTAATTCG
CCCCGTTTCTGA

>trans_s_4495 AY109930|Zea mays CL12284_1 mRNA sequence

ATGTAGTGCATGCTTGTGGAAATTTTATGCAGTCTGCTACTACACATCGTCAGAAGGTTAAATCTACCATCCAA
GAAGTGCTCAACAGGCATGACATTACAAGACCGGCTGCTTCTACAGAGTTCGAGTGGCTTTTGGATTCCGCAT

TATTGGTCTTACCTGTGTTAATATTGTTCCATCTTTGCTCTTGCTGTGGCATATTCCGTAAAAAGGCAAGGACAT
CTGTTCTGGGGTACCAACACCAACCATGGACGTCGTAAGGCTAAAAAGGGAACCTCTGGGAGGTGAAGTGTA
CATCGTTTCCTGGTCTCTGTTGTAGACGAAATTTTAAAGATGGACAGCACATCTTTGGCTTCCCAAATCCTCTA
GAACTGGAACGGAAAGGTCTGATATTTTTGAAGCTCTAACAGTTTCATCTCCTTTGTTAGCCATGATCATCA
CACACGCTGCTAAAAAATATCCAAGAAGTTTGAAGTTGAAGTTATACTCTGCTTTTCATGTTTGACTGTGAT
ACCGGAGCTGTACCAAGTTTTTGTTCGATGTGATGTGTTGTAAAATAGTCACGAAGTTAAAATAAATTATTTAA
AATTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAACAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4496 FJ871001|Gossypium hirsutum ATP synthase epsilon subunit 1 mRNA, complete cds

AGAGTGTAAGAGAATTGAGAAATTTTTTCGAGACACAGGGAGTTTAGAGAGTAAGTCGGAGAACAATGGC
GTCGAATGCAGCGGTACCCTTTTGGAGAGCGGCGGGGATGACTTACATCACATACTCAAACATTTGTGCCAAT
CTGGTCAGGAACTGTCTCAAGGAGCCTTACAAGACCGACGTTCTCAAACGTGAGAAGGTTCAATTTTTCCGTTTC
CAAGTGGGTGGATGGCAAGCCCCAAAAGCCCACTGTTAGGTGCGACACTCCTGAAGCGTGAAGGTGTTGGTA
GTTGCCATTTTGAAGGTGCTTCTGTTTTCTTATCAACATTTGTAGGATTGAATCACTTTTTGAAATCAAACCTTT
CATGGAAATGGATTGATGAATCTCTGAATTTCCATAGGTTTGCAAATGTAATAAATCTTGCTATTAAATCAA
CTATAAAGTTTTTATGTTTGGTTTTTCCATGAACTACACTCCGTATCCTGCCACTTTGAGCATTGGATCTTCAT
AAAAATAATTTTTCTGTGTTGTATTATAGTCTGTCCTGATGTATCTTTTAGTGTTCTTATTCAACCACTTCTGTTG
GAGGTTGAACTAAAAACACTTCCATTCTTATATTCTAAACAAAAGCAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4497 NM_115222|Arabidopsis thaliana AtPPa4 (Arabidopsis thaliana pyrophosphorylase
4); inorganic diphosphatase (AtPPa4) mRNA, complete cds

TCTCATCTCTTTCATTCCCTTTAAAATGGCGTAAGAGGAAGAGAGCGGGAACGTGTATCGTACAGCTTCTCTTT
GCTTCTCTCCTCTTCAACCTTCTCCTCCCTTCAACCTCAATCTCTTGCAATTGAGATCTGCGCTTCCGTTTTCTG
CCTTTCATTTCTCCTCTCAAGCTTTCAGGTTGCTGTTATGGCTCCTTCAAATGGAACAACAACAATGCCCATC
CTTCCCCACACCCACCATTGAATGAGAGAATACTATCATCCATGACTAGGAGATCTGTTGCTGCACATCCTTGG
CATGATCTTGAAATAGGACCTGATGCTCCCAAGATTTTCAATTGTGTTGTTGAAATAGGAAAGGGAAGCAAAG
TGAAGTATGAACTTGACAAAAAACTGGTCTGATCAAGGTCGATCGGATTCTTACTCATCTGTTGTGTACCCA
CACAATATGGCTTCATTCTCGAACTCTTTGTGAGGACAACGACCCCATGGATGTCTTGGTCATCATGCAGGA
GCCAGTTCTTCTGGATGTTTTCTGAGGGCTAAAGCAATAGGCCTCATGCCTATGATCGACCAGGGTGAAAAA
GATGACAAGATCATAGCAGTTTGTGCTGATGATCCTGAATATCGTCACTACAATGACATCAAGGAGCTCCAC
CGCATCGAT

>trans_s_4498 AB006601|Petunia x hybrida mRNA for ZPT2-14, complete cds

ATTCTCTCTTCACTCAATCGAAACCAAAACGCCATTTCCGTTTCTAATTTTCTTCACACAAACAGAGAGAGAG
AAAGAGAGAGAGAGAGACTACGTTTTCCAATATTCCTTACCATCATTATCATGAAGAGAGAGAGAGATCTCG
AGAGCATAACAACCATGGCGAACTGCTTGATGTTACTTTCTCGTAACACTGCGGCAGATCATTTTGAATCCTCG
TCTACTAATTCATCTTCTCCGAATCGTGTGTTTTGAGCGCAAGACTTGCAATCGGCAGTTTTCTGTCGTTTCAGGCG
CTTGGAGGACATCGTGCTAGTCAAGAAGCCGCGGATTGTTGGAGGAGATGGCGGAACTCCGATGGATCT
TCATCGCAAGGTTCTCCGACTAAGCCGAAGACGCACGAGTGTAGTATTTGTGGATTAGAGTTTTCGATTGGTC
AAGCGCTTGAGGACATATGAGAAGACATAGAGCAACAACGCTGTTGAACGATGCTCGATTACTTACTAATC
ATCCTAGAAGATCATTATCTCTCTCCGCCGAAACCGCCTGTGGTGAAGAAGAGCAACGCGGGTGGGAGAA

>trans_s_4502 FJ809943|Vitis vinifera cultivar Xiangyue transcription factor APETALA2 (AP2) mRNA,
complete cds

TCTCTGTATAAATTTTCATTTTGGCAAATCTTCATCAATCCAAAAAGAAAAACAGAGAGAAAGAAAGAAAGAA
GGTGAGTTATTAAGGACGATGGATGGATGGGGTGCGAGGCTTTCTTTCGGTTAAGTAAAATAAGCCCACCT
ACAAAACCAAACGAAAAAAGAAGAGAAAAAAATAGACTTGAACTCAGATATCCTTTGGAAAAGGCAGAA
GAAAAAAAATGTGGGATCTGAACGATTGGCCTGATGTAAGGGAGGAGGATGAATGTTCTCCGCCAAGA
CATCCATTGAAGGTGAAGGAGATGAGGAAAAAGGGAAAAGAGTGGGATCGCTTTCCAATTCAGCTCTTCTG
CTGTGGTTATGGAAGAAGAGGAGGTGGAAGTCGAAGGTGGTTCCGATGAAGAGGAACCCACCCCATGGTT
ACTCGCCAGTTTTTCCCACTCGAAGAACTGAAATCCCACTCCCCTTCCACATGCTTCTACCACTTCTGCCCC
CCCGCTGCCGCTGCCGCTTCCCTCGGGCTCACTGGGTGGGGTCAAATTTGCCCATCCCGATCCTCTCGCCG
TCTTCTAATAATTCTTTAACCCCCACCGACCTCTCTACCCCCATTAAAAAGAGCCGCCGCGGCCCAAGGTCAC
GTAGCTCCAGTACCGCGGCGT

>trans_s_4503 EU016718|Acorus americanus NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 2
(ndhB) gene, partial cds; chloroplast

TAGCCCTACTCTACTTTTGAAGTAACAGAAAGAAAAGCAACGACTGGAGTGGGAGATCCTTCGTATACGTCAG
GAGTCCATTGATGAAAAGGGGCTAGGGAAAGCTTGAACCCAATTCCTACAGTGATGAATATAAGCGCAATTG
AAATTCCTGGGGAGTTATACATTTGTGTATTGAGAAGACCATTTACTATTTCTGAAGCTCGATCTCTCCCCG
GATAAACCATATAGCCAAGAGAAACCATAAACAGAAATAGAAGAACTTGCCCCACCCATGAGTAAATATTTCA
TAGTAGCCTCATTAGACCGTACATCTTTCTTGGTATATCCAGATAATAGGTAGGAGCATAAACTGAAACATTCT
AGAGCTACAAAGATAGTTATTAATCATTAGCACCGCATAAAAACATTCCTCCTAGAGTAGCTGTTAATACGAA
TAACAGAACTCTGTTATAGCCATTTCTGTACATTCAATGTACTCTACGGATAGAGGAATACATAGAGTTGAAC
ATAGTAAAATAAGAAATTGAAAGATTTGTTGAAATTGTTGTTGGAAATTTCCCGAAAAGCTAATCATAGG
TTCTTCTCTCCATCGGAACAATAGGGCCGTTATGCTCATTACTAACTTGTGAAGAGATGAAATATAACCAAG
ACGAGGTTTTGTT

>trans_s_4504 X85038|S.oleracea mRNA for 6.1 kDa polypeptide of photosystem II

AGATCCAAGTTTTACAGCCAAACAAAAGCATTTCCCTTCATCCTCAAGCAGGTGTTTTTAGCTGCAAACATGGC
TTCTACTCTGCTTCCTCACTCCAGGCTTTTACTCAAAGGATCATCCAAGCTTCTCCATCCTCAACAATGGCAGC
TCCCAGGTTGCCACGTTGCAAAAGATGAAGATGGGAAGGATAAAATGTAAGGTGGAAGAGAAGCCAGAAG
GGAAGAAGTCAGAAGAAAGCATGGTTCGGGGACAGTGGCCGCAGTGGCGATGGCTGCATTGGCGGCAGC
AGGACCTGCGGTGGCGCTGGTGGATGAGAGGATGAGCACAGAAGGGACAGGGCTGCCTTTTGGTTTGAGCA
ACAACCTTCTGGGTGGATTTTGGCTGGGATGTTTGGTTTAATTTGGGCTCTATATTTTGTCTATGCTTCATCCT
TGGATGAGGATGAAGATTCTGGTTTGTCTCTTTGAATCAATCACCCAAATTTCTTAAATGGAAGTAATGGTTG
TATTCATTTTTTACCGTTACCCAATTGCTCAGTTCAACCATAACTTTTCATGTATTAATTCCAAGTATACATAT
CTACATTTTCAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4505 FJ858143|Medicago truncatula thioredoxin h7 mRNA, complete cds

GAGCCACATCTTGATACTCGAAACAAGACTTCAAACAGGGATCTGAGCTCAAATTCAAATCTTTCGGCTTCAA
TTTCAAAGATGGGAGCAAGCTTTACGGTCCCAGGTTCAAATCTTCTAATGCAATGATACAACCAAAGCCTC
CAACCATTATAGAGTGTACGACAAAGCTCAATGGACAGCTCGTTTTGAAGCTACAAAGGAAACAAACAAGCT
TATGGTGATTGACTTTGCTGCTGCATGGTGTGGACCTGTGACACATGGAGCCGATTATCAAGGAGTTTGCA
GCAAGGTTCAAGGATGTTGAGTTCGTTAAATCGATGTCGATGAATTGATGGACATCGCATACGAATATGGG
GTGGAGGCAATGCCAATTCATACTGATTAAGAATGGGAAAGTAATCGATAAGGTGGTCGGAGACAGGAG
GGAGGAGCTGCAGAAGAAGATTGAGAAACATAGTAAATATTGATTGATGCTAATGAAGCTCCTCGATAAGGA

AGGAGGAAAAAAGTAAAATAAAGAACCATGAATCTAGCTGTCTAGAACAACTAAAATGGTTTTTGCTGTTA
TTTATTAGCCCAGCCCTTCTGACTTCTGATTTATATATATATATATACATACATACATAGATATTCTA
TATATTGCTCTTCATGT

>trans_s_4506 DQ914795|Cucumis melo xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 2 (XTH2)
mRNA, complete cds

CCAAACACACACACACACACACATATTAATCAAATTCACGCTCACACCCCACTTCACTTCTTCTCT
CAAATTATTCAAACATATCTCATGGCTCCTCCTCCTTCATTTTCATCTCTCTTACTCTTCTCTCTCTGTT
TCCTCTGTCTTTTGTAGTAACTTTACAATGACTTTGAAATCACTCGGGGTAATGACCGTGCCAAAATTCTCAAT
AATGGTGACCTTCTTACTCTTTCTTTAGACCGAGGCTCTGGCTCTGGCTTTCAGTCTAAGAATGTTTACCTTTAT
GGTAAAATTGATATGCAACTTAACTTGTCCCTGGAACTCTGCTGGCACTGTCACTACTTATTATCTTAAATCC
CAAGGCTCGACGTGGGATGAAATAGACTTTGAATTCTTGGGAAATCTCAGCGGTGATCCTTATACTCTTCATAC
TAATGTTTACACCCAAGGCAAAGGCGACAGAGAACAACAATTTACCTTTGGTTTGATCCTACCTCTGATTCC
ACACCTATTCAATCCTCTGGAATCCCCAAGGAATCATATTCTCGGTAGATGGAACACCGATCAGAGAGTTCAA
GAACATGGAATCTATCGGCGTAGCCTTCCCCAAAATCAACCAATGAGGCTTCAATCCAGTCTATGGAACGCC
GA

>trans_s_4507 NM_116388|Arabidopsis thaliana serine protease inhibitor, Kazal-type family
protein (AT4G01575) mRNA, complete cds

AGTTTTCAAAACCCGCTGAACATGATTCTTCTCCGCACCTCCGGTTTCCATCGTTTTCTTCTTTCACTCCTCA
TCTTCGTCTTGCAGTCCGATCTGAGGATGTTTCTCCGCCATCCGCTTGCTTCTGAAGCCACCAATAACGAC
GGCGATGTAGATCTCTGTCTGTGTCGGTCCCCTCTTATTGTCCCGTGAAATGCTTTAGGACGGACCCCGTCTG
CGGGGTTGATGGCGTTACCTATTGGTGTGGTTGTGCCGATGCTCTGTGTTCAGGTGTCAAGGTCGCCAAGATG
GGATTTTGTGAAGTCGGCAACGGCGGTTCTGCGCCTATTCCCGGCCAGGCCCTCTTCTGGTGCATATTTTGTG
GTTGATCATCCTTGAGATTTCCGTCTTGTGTTGGAATCTTCTGAATCTCAGGCCACTTCCATTCATTTGGCTCCCTT
ACGACTATAGATGGATTGCTGTATGAATCCCCTTTCTTCCATTTTCTTATACTTGAACATTCTTTTGAGAGGAT
CATTATTGTTGCGCAATTGATTTATCCTATTCTTTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCCTAATCAGAATTGCTTTTCTTTTCGAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4508 Novel Gene

ATTGAAGAAAGATTGAATTTGAATATCAAAACCAATCCACATGAAGAAAGGGCTATTGATTTTGTCTCTTCT
CCATTCTCTGCCTCTATCTTCTTCCATTTTGCCTATGCGAAACCAATTTCACTACCAAAGCTGATGATCATGATAA
GCAGCTGAAGCAGGGGAGGCCAGAAAAGGATCCACAGATTTACAGGGCAGTGAAGAATTACATGGTGGAG
CAGCTGTGGTGACGGTTATGCGAGCAAAAGCAGTTTACGGCGGTGCGAACGACATTACACACGGCCGCTCCA
AGAATGATGCTAACTCTTACGGATCAAATCAATTTCTTCGTTGGTGTGGAAAGTTTCATTTGGATTCTTGGTT
TCTGTCTTATTGTCAAAGGTTTTTAAGCACCAGAAGTTCTGTTGTAGGGTTTCAGCAGAGCAGTTGTAAGTGTC
ATGGTTATGCAATGGCTTATTATAAACCTTGTTTATAGCCAAATGTTAATTTTGGAAAACCTGATTTTGAAGCTT
CATAACGCACTCTTTTCTTTGTAGACCAGAATCTTGTTCTTCCAAGTCTGTTTCCAAGTTCCAAGTTAGTAA
TTTGTAATTTCTTTTGTCTTTTGAATCAGAAATAAATTGGTTTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_4509 NM_001070104|Oryza sativa Japonica Group Os09g0498800 (Os09g0498800)
mRNA, complete cds

CACAAGACATAGCTTTATTTTTGAAGAAGATTGGTTTCGACAAGGATGCTACCATATACTTGACTCAACCGAGA
TGGGAAAACAGTCTTGATGATCTCAAGGATTTATTTCAAAGACTTACACAAAGGAAAGCATAATGCCTGCTG
ATCAGAAGGCAAAGTTTTGAATTCAAAGAGTTCAGAATATGAGAAAGTGATCGACTTCTACTTATGTAGCCA
AAGCGATGTATTCGTACCAGCGATTTCCGGTCTCTTCTACTCAAATGTTGCAGGAAAGAGGATTGCTTTGGGA
AAGAATCAAATACTGGTTCCAGCCACCATTAGAGAACCCACTGCCTCTGCTTCCAATTTCTCTCTTACATC
ACAAAGAAGAATCACTTGGCATACTCGTGCTTTTGCTAGGTTCATAGTAAAGATAAATGAAGAGACGAGCAAC
AGTATCGATCTCTCATTTGCGTTGCGTGATCGAGCTTTGTGGCCAGCAGATGACAGCCCAATTGTATTGCATA
TGTTTTCCATATTGTTTCTTAAGTGATTCCTAAACAGAAAAAATTATTTGTTAAGGTAGTCTTGCAAGACATTCA
GCAGAACGATTAAGATGTCAACTATTGTTTTATAAAGGCTTCCATTTAAAGTAATGAGATTGAGAGAGTACTA
CATTTTGTGT

>trans_s_4510 AY065838|Brassica oleracea cysteine protease inhibitor CPI-1 (CPI-1) mRNA,
complete cds

AAAATCCATCAATCAATCTATCCATCAATCTCTCTGATTTGAACTGAAGAGATCGTAATGGCGACTGTTGG
AGGTATTAAGGATGTTCTTCAAACGAGAACAGCATCGAGATGGATGAACTTGCTCGTTTTGCTGTTGCCGAA
CACAACAAGAAAGAGAATTCATTCTGGAATTCAACAAGTTGTGAAGGTGAAGCAACAGGTGGACGCTGGA
ACAGTTTATTACATAACTGTTGAGGTAAGTGAAGGAGGCCAGAAGAAGGTTTATGAAGCCAAGATCTGGGTC
AAGCACTGGGAGAATTTTAAGCAGCTTCAAGAGTTCAAGCTTGTTGATGCCTCCGTGGGCTCCTCTGCTTAGTT
TGCTAGGGTCCTAAATCCATGATGATGCGTGGAATAATACGAATGGAGCAGAATCCTTTTCTTTGATGTGT
AGTGTCTTTGATTTAATAAATTCTGTAAGCTTATGGAGTATGTATGGATATTTATTATCAGATCTCAATAGTTG
TTGTGAATTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAACCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTATT
AAACCCCCCAACCCAG

>trans_s_4511 EF514212|Solanum tuberosum strain P6/210 contig R1, complete sequence

AGAACAGAACTACAGGGATGTGGATGGGGGCAGCTTCAATGGCAGGTTTCATGGGTAGCAGCTGGTCCAACA
ATTGCAAGCTTCATGTTTGTGGGCTATGATTCAACAATATTGCCCAAGCAGTTCCTCGTTTCTTCAAGAAA
TACTGGCGTAGACTCATGAACTACTTCCATCCTTACATACAGATCTCAATCCATGAATTTGCTGGTGAACGTCTC
AAACGTAGTGAAGCTTTCATTGCAATTGAATCATATCTCAGCAAGAATTCATCCAACACAGCCAAAAGACTCAA
AGCTGAGATAGGAAAAGACAGCACAAATTTGGTGTTCAAGTATGGATGATCATGAAAAGTGACCGATGAATT
TCAAGGAGTGAAAGTATGGTGGGTTTTAACAGAACAGGTTTCATCAACAAAACCCGATAATTCGTATCCTAGT
CCTGATAAGAGATATTATACACTCACTTTCCACAAGAAACACAGAAGTTTAATTACGGAACCATATTTGAAGTA
CGTGTTGAGTGAAGGGAAAGAAATTAGAGTAAGAAACAGGCAAAGGAAGCTTTATACCAATGGTTCTGGTG
GAAGATGGAGTTACAGCCATACTATGTGGAGTCACATAGTGTGAGCACCTGCAACATTTGACACCCTAGC
AATGGAAGCAGAGAAA

>trans_s_4512 BT009721|Arabidopsis thaliana At5g67620 gene, complete cds

AAAAGTTCAGAAAAATATAAAATAAAATCTGAAATCTTTTTCTTCTTCTCCTCTGTCTCTGATTCTGTTT
CGTATTATATTTCTTCTTCTTATTGTTTTGTTGGTGTCTTTAATCGTTAAGTGTGTGATCTGGAAACGTCACG
TCCTTTTGTTCAGAATTGAGATTCTTGACGTGCATCGTGTAGAGAGCAATCAAAGAAAGGCGTCAGACTCATTT
ACTCGTGTGTATAGTCTCTGATTAGTTTATTTATATATATATATATAGCTTAAATTAGCCTCTACTTCAA
AACAATTAAGCCACACTTCGCCAACGCACGCGACCCACACGCGCACTTAGAATTCTTGAGTTGAGAGATTTG
GTTTAGCGATAGGGGGGGCTAATGGGGAAGTGTAGGCGGCGGAGGCGGCGACGGTGTTGATTCAACACCC
CGGTAATCAAAAGATCGAGAGGATTTATTGGTCTGTAAGTGCACACGAGATCATGAACTCTAACCTGGTCAT

TACGTTGCTCTCCTTATCACTTCCTCTACTTTGAAGTCCGAAAATGGAAGTCCCATCAAACAGCTCAAGCTCCTC
CGCCCTGACGACACGCTTCTCATCGGACACGTCTATCGCCTTATCACTTCGAAGATGTACTGAAGGAGTTTGC
TGCAA

>trans_s_4513 AL161518|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 30

ATTTCCATTGTGCCCTAGCTTTAGCTTTTTGATTGAGCTCTCCATTCATCTCCCAATTCCTCTTCAAATCACTAA
AATCTTCTCCAAAATCCCAATTCAATTCTCAACCGGCAATCTTAATCCCGTCAGAAAAGCTTTGTTGATCG
GATGGAAAACACCGACAACAATGCCCTCAGTATCCTTTCACGGGAGAAGCTCGACCAGGTCGCCGCTGGGT
TGCGGCTACCATGTCTCCGCTTTTTCTCCTCCTTAGAACGATTCTCCTGTGTCAACGTTGCCACCAATGACCTT
GACGACGACGACGACGACGACGACCTTCTTGTCCACTCAACCGCTCTCCGATCAAATTCTACCTCCTGACCA
ACATGACGGGTTTGTGATCTTCTGTGTGATCAATCATCTAATTTATAGATCTAATGTGCATTTCTTTCTTTA
TTAATTATGTATTTGTCTTTCTTTTTTATTCGAATCTTCTTTTTTCCGTTATTGTTGGTGTGTTTTGAATTTTC
CTTGATGTGTTTATGATGATACAATGGTAATGTGATAGCCTTCTATGCTGCCCTAACGACGGGTTATTTTCGAT
TTTGATTTGATTTGTAATCATAATCGATGTTGATTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4514 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

CCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGG
CTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTCTGGGTCGTCTCAACCCTTGCGGCAAAATCCCGATTTTTGGGGG
CGCCAGCGTCCCCTACATCCAAAGGATTTACTTGTTACTAATAGAGTCTAGCCTATGTTCTTCTTTAGATCCCTT
GTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGAATGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTG
AAATAGATAAAACATAATCTGTATTATGGCATATATATCACCTATTCTAATGGATCTTACGGAGCCTGGTCATG
CACGACATGGTCAAGTCTGATCATGGAAAAGATTCTTCAAGCGAACCAGCCTACCCTCTGTATGGAGCTTTC
GCGGTGGTTGGAATAAAGACACATTTTCAACACTTAGGGTTACACCGTCTATTTTTCTGTATATAGATGTGCCA
GGTTAGGGCCTGGTTTTTTTGTACTCCATAATCCATTTCTCTTGAAGAATTCCCTTCAACTATTATTGAAAA
ATAACGAATAAAATTTCTGGAGTTGAAGGAAATATCCAAATACATGTCTTATTTTTCAATAATCCATATTTG
CAGC

>trans_s_4515 AY220097|Phaseolus acutifolius protein kinase SPK-3 mRNA, complete cds

AAGACCAGGATGATCCTAGAACTTTTCGAAAACTATTCAAGCAATAATGGCAGTACAGTATAAAATACCAGA
CTATGTTACATATCCCAAGATTGCCGAGACCTACTCTCTCGCATCTTTGTCTCAAATCCATCAAGGAGAATTC
ACTAAAAGAGATAAAAAGTCATCCATGGTTCTTAAAGAACTTGCCAAGGGAGCTGACAGAAGCAGCCCAAGC
CATCTATTACCAGAGGGATAACCCTAGTTTCTCACTTCAAAGTGTTGAAGAAATCATGAAGATCGTGGGAGAG
GCGAGAAACCCGCCCCCATCATCAACAACCGTCAAGGGCTTCAAATGGGGAAGTGAAGAGGATGATGAAGAA
GGTGACGGAGAGTTGGAAGAAGAGGAGGTAGAAGAAGAAGAAGATGATGAGTATGATAAAAGAGTAA
AAGAAGTTCATGCTAGTGGAGAATACTTACGTACTTAGAAATAGAACATAACATAGAGTTGTGTGATTATATT
ATTGAGGTCGGTTGTTGTTATGTGTACAGTAGTGTTAAATAATTATTGCTCTCCACAGTAAGCATATCATATTA
TATATCAGCAGACCTTTAAGTTCTAAATGTGTTTATTTATTGTTGGTTGATGGTCTGNCACTAAGCTATAGTT
TATTTCTCTTTTGT

>trans_s_4516 BT003694|Arabidopsis thaliana At5g52960 mRNA, complete cds

ATAGTATAGATTGATAGGGATAATGTCCATCACTTTTGCTTTTCATTCTCTCTGTAACAATGTTTTCCCATCCCCC
ACTTCAAATCATCTCGAAATTTTCATCGATTTGGCGTCCAATTTCCACTAACTCCCACAATTAAGCAACCCCCATC
TCTCAACCCTTGAGGAAAACCTTCACCATTGTTTCTTCCAAGTCGTCCGAAGCAGAGGAGCTCTCTTCTCTGA

GGACGAGTGGCTTAACAAGCTACCAGAAAAGAAGAAGCCCTTGATTCTCACAGTTTGCCTTGCGTTGAGGCT
TGGTTGAAGAACTTAGGATTTTACCAAAGTAAAGAGGACCGAGCTATGTGGCTGATCGAGAAGCCTGAATGG
CACGCTCAGCTCTCACTCGATGTCACTGACCTCTATATAAGATATCTCAAGAGTGGACCAGGAAATCTTGAGA
AAGATGTAGAGAGGAGATTAGCTATGCACTAAGCAGGGAAGATATTGAGAATGCTGTACTTGAGGACCGT
GAACACCATTATCATTACTCACTGTATTTAATCATTCCCTTCTGTCAATAAATATAACATTATTTCTTGATCTAT
TCTTTTCCAATTCCACAATTGCTAGGAATGAAATCCACTTTTTGCTCACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4517 NM_179022|Arabidopsis thaliana electron carrier/ protein disulfide oxidoreductase
(AT4G10000) mRNA, complete cds

AGTGCATAAAAGAGTACGCCATTTGAGGTTTGAAGCGAAGCAGGAGAGGTTTCAGTTTGAAGGCTAACCAAC
TAGAATGACATCGTTCTATTTGCTACACCATATCATTCTCTGCACTGCTCTTCGGTCTTCATTCTGAACAG
AGCTTCAACCAAGCAGCCACTCCGTTCTTTCAATCGGAATCTTCCCGAATTCTGCAAGAAATTTAAAATC
TCTTCACGCAGGCGCAGGTTTCGTGCCGACTCTGTTGCTCATGCGCTGAAACTGAAGAATCTCGAACTCAGA
TTTCGCCTGAAAGTTATGAAGTCCGAGTAATGGAAGCACGCCTTCTACAAGTTTTCTATCTTATCTCTGCCCCCT
TGCTCAAGCTTTTCGCTGGAGGAGATCCTTCGAGAGAGAGGAATTTTACTTTGGAGGCAATGATTTAACCTTC
TTTGTTCATTACATACTAGCTCTTTGGATTGTTGTTTCGCTCAATGCGTTTTTTTACTTTTGTGTTTCGTACAGTA
TTTTACAGTCATTGTTGATATACGGTTTTTTATAGTTAGTTCTACAACATGCAACTTATTTCCGGAACATATTTT
GCAAACTGTCTATTTACATAATTGCATCGAAATGATAGACTGATATTCCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_4518 NM_001160807|Arabidopsis thaliana binding (AT4G30990) mRNA, complete cds

ATACAGATGAAAGCTGTTTTCAATGTCTTTGGAATATATCATCACAAATCAGTGTAGAAGATTGTGAACGATA
TGTTTTCGAAATCTTGTTGCCTTTATATAGAGTCCGTGAAGGATTTTCTGAAAAGTGATCCCAGAATCAATGG
TACAGTTGGCCCAAGAAGTGTGTGACAAAATACAGAATTGTTTGGGGATTGAGAAATTTGTACAGGTGTACA
GCCAGATCAAGAAGAGTCTGAAGACCAAAAGGGACAAGAGGAAGCAAGAAGAGAAGCGGATGGCTGTCAT
TAATCCTATGCGAAATGCGAAAAGGAACTACGAATTGCGGAAAAGCAACGTGCCAGCAAGAGAAGGAAGA
TAACAACAATGAGAATGTCAAGAAGAATGTTGTAGCCTTGAAGATTAGTTGAGATGATATTAGATGAGCTAAT
ATATTTGTTGTTAATCCTGGCGTCAGAAAGATGCTGACTTCACAATTTTGTATTCTTCTATAGTATATATCTTTAT
TACTGTGTATATTATTCAATTTTATCTAATTATAATTATAGTAGGAATACAAGTCTTCATGTAGCTTCCTTGTA
ATAGTTATTCATGCAGCTTATCTGATTATAATTATAATAGGAATACAAGCTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_4519 DQ422858|Elaeis guineensis palmitoyl-ACP thioesterase (PATE) gene, complete cds

CTTCAAAAGAGCCTTAAATGCACTGAGAAGAAAAAGGCAAAATTTCAAGTAGCTGGATTCATGAAAGCCCCA
ACTTTAATGCGCCACCAAATTCCTCAGAGATGGCAATAAAAAGAAAAGGAAAACAGAGACACCGCCGAATTC
AAAGACGGCGAGAAACCTCGAAAGCAGCACTAACGAACCGAATAGAAAATTTTGATCAGAGAGTTGAATTCA
TGAGTTATAAAGGAGAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGACCCACTTTTTTCCCCCTTTCTTTGTAT
CTGAGCTTGAAATACAAAAAATACTTGTTGCTGTGTATATATATAAACAGAATGGGAAGAAAGAAAAGA
GTTGAAAAAAAAGAGTTTTAGAGAGAAAGCGATAGAAGTGAGAGAAATAGAAAGGAAAGTGAGAGAGACG
AAACACCCAATTCGCTTGTAACCACTTGATGATTGATTCTTTCTTTTGATTAGGTGAAAGTGAATTTGGTAA
ACAAAAGTGATCTAGACGTTGTTCTGATCGATAAGGTCTCAACCTAACAAAGGACCTCTCCTTTTATAGCCCCA
AAATTTTTTAAGTTGCTTCGAATTATAACCTTCTCCCTATAGCTTTTAATATATCAATTTACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4520 AB176523|*Nicotiana tabacum* NtGT5a mRNA for glycosyltransferase, complete cds

ACAAC TACA AACTTCCTTTCTAAA AACTTTAGATTCAAACAACAACAACAAAAACATCGATATGGGTTTCGATT
CCATTT CGGAACAACAGCCCCATGCGGTTTGCATTCTTATCCGAGTTCCAATGATTGTTGGCCGTTCTTCGC
GGAACAGCAAACA AATTGCCGGTATTGTTGCACAGAATGGGGAATCGGAATGGAAATTGATAGCGATGTTAA
GAGAGAAGAAATTGAAAAGCAAGTGAGGGAGTTAATCGAAGGAGATAAAGGAAAAGAGATGAGAAAGAGA
GCTCAAGAATGGAAGAAATTGATGGCCGATGCGGCGGAGCCTCACTCCGGTTCCTCTTTCCGGAATCTCAATC
ACTTGGTCCATAAAGTGCTTCTTCAATCTCCTTAAACCAAATTTATTTATTTGGTTGTTACGTCAACATCATATAA
CTATAAGTTAGATAAAGCATTATGTATTTTTCTTCTTATATATGTTTATGAGATATTCATTAGCAACTTGGA
TAATAAACTCATTTCCAAAAA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCGAAAAATTTATCAATC
CCCCCAACCCCGG

>trans_s_4521 AJ225027|*Cicer arietinum* mRNA for ribosomal protein L24

CGACCACGAAGAAACGGAGGAGTAACA AACTGCAGCCGCCACCATGGTGTTGAAGACCGAGCTTTGTCGATT
AGTGGTGCGAAGATATATCCCGGTAAAGGAATCAGATTTGTCCGGGCTGATTCACAGGTTTTCTGTTTGCTA
ACTCCAAATGCAAGAGGTACTTCCATAACAGACTGAAGCCTTCTAAGCTCACCTGGACAGCAATGTACAGGAA
GCAACATAAGAAGGACATTGCTCAAGAGGCTGTAAAGAAGAGGAGACGTGCCACCAAAAAACCTACTCAAG
GTCCATTGTTGGTGCTACATTGGAGGTGATCCAAAAGAAGAGATCTGAGAAGCCTGAGGTTGCGGATGCTGC
AAGGGAAGCAGCCCTCCGTGAAATTAAGGAGAGAATTAAGAAAACAAAGGATGAAAAGAAGGCAAAGAAA
GCAGAAGTGATGGCCAAAACACAGAAGACACAGGGGAAGGGTAACGTTGGTAGGGGAGCTGCACCGAAAG
GACCAAAGCTTGGTGGCGGCGGTGGCAAACGTTGAACTCTCTATGCTGTAAGCTAAGAAGAGTAGTAAGCTT
TTGATCGTCTTTCAATAGCAAGCCTGAGTAAAAGATAATGTTTGTTATTTCCAAAATTTGAATGGATCAATT
ATTGCACTTATGTTACACATAT

>trans_s_4522 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete sequence

GACTTCGTTTCTCAGGAAATCCGTGCAGCGGAAGATCCTGAATTTGAGACTTTCTATACCAAAAAATATTCTCTT
AAACGAAGGTATTCTGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTT
CTACCCCGTGGAACGCTCTTTAATGGAACTTTAGCTTTAGCTGGTCGTGACCACTCCCAACAATTGGGATAGG
TTGTTTAATTTCCGTAAATCAGGCGACCGGGCGCCGGTAAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGATT
AATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTTCGTACCGGAGAAGCCCATGTATGAA
CAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTTTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTATAGACA
CCTTTCCTTATTTTGTGTCTGGAGTACTTCACTTAATTTCTCCGAGTATTGGGTTTTGGCGGTATTTATCATGC
ACTTCTGGGACCCGAGACCCTGAAGAATCTTTTCATTCTTCGGTTATGTTTGAAAGATAGAAATAAAATGA
CTACCATTTTGGGTATTCACTTAATTTGTTAGGTATAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAAGCTCTTATTTTGG
GGTG

>trans_s_4523 NM_115790|*Arabidopsis thaliana* TXR1 (THAXTOMIN A RESISTANT 1) (TXR1) mRNA, complete cds

TGGCAGCCATACCCGAACTCCCTCGCCTATCATATTTCAATTTCTTCTCTCTCTCTCTCTCCATTGCCATATAG
CTCCATCCCAAGCTCTAGCGGCTTTAACGATTCTGGACGTGTTGTCAGGGCCAGCCACTTAATCATGGCTGCAA
AAATTCTTGCCAATTTAATTGTTATGGGCTCTGGGATACTTGCAGGGCCTTTGTTCAAGCCTACCGTCAAGCC
CTTGCAAATGCTTCAAAGTCCGGTGTGCTCAAGAAACAATGCAAAACACTGTTCGTAGAGCAAGCAAAGTGA

TGACAGAGCAAGAAGCGAGGCAGATTCTTGGTGTACCGAGGAAACACCTTGGGAAGAAGTTGTAAAGAAA
TATGACGCCTTGTTTGAAAGGAATGCTCAAACCTGGGAGCTTTTATCTTCAGTCAAAAAGTTCACAGAGCCAAGG
AACGATTAGAACTCTCTATCAGAACAAAGGTCAGGATGCCCTAGCTGAGTGTTTTGAGGAATGTGCTAGTT
TTGAACATTTTACTGATCTTGTATAATTTTTATTTGATTATGGTTGGCAAGGCATGAATGATGAAATTGGAGC
CGTCCTTGTTTTTTTTTATACATATCATTCTTTCTAATTAAAGGTAAGTTCTTTGGAGGTAATATGAAAAAG
TATCAT

>trans_s_4524 DQ287966|Cucumis melo MRGH-J mRNA, complete cds

ACAAAAAACAGAACAAAGGCAGCTCTTGAAAACCTCTCACCATTTTCCTCTTTCTCTATGGAAAATGGTA
TGCAATTAGAAAGAGAAGAAGGAAATTATGAACTATCAAACCAAAGTCAATGACCGAGCTCCCAACATCTT
TCACTCTTCCAACATAATCTTAAATCAATATTGTTTCTGTCTTTGAACAGTCTTACGATCCTCTTATTGTTTGCA
GGCAGTGCAGTGGGGACTGTAATGTTTCATGGCCTTTCTCCTCTGCCATTGATGCCTTTGTTATTTCAATAGTC
TTTGCTTTTTCAGGTGCTTTGAGTGCTCTTTTGGTTCCTCAAAGGCACAACCTTAGCAAAATTTTGTGCCGTATAT
TCTCTGGTTTCCATGGCTTCTGCTCTGCTTCTGCTGATTGGGGACTGTATCATACTCATTCTTGGCAAAGCT
CATTAGTAGAGGGAGCTTTATGAGATTTGAATATGTTTTGTTCTTGTGTTTGTAAACCCCTTTGAGCTTTTAA
TCTAAATCTTCTCCCAAGTGTTTCAGAATAGTGAAGAATGTAAAGAAGATTTGTTAATTCACCTGTACGTTAT
ACTTTTGAGCCATCTTTTTGAGTTGAATCTCTCTCTCTTTCTTCTAAAAA

>trans_s_4525 XM_002313833|Populus trichocarpa stress-enhanced protein 1 (Lil4_2), mRNA

AATCGAGCTCATCCTCAGATGGCCGTTCTTCATGCTCCGCTTCTCTCCCTCGCCATACGCGATGCTTCCTTC
GCAAGAACAGCACCAAAAGCTTTTCACTTCATAGAAGTCTCCTACCGAATTTATATCGAGTTGGAACCACGTT
CGCTACTGGCTCTCCTCTCGTGTTAAGCAAGCCAATTGGTCAAAGAAGCATGCAGTGAAACAAATCTGTTT
CTATAAGATGTGAGCAAAGTACCCAACAGAGCAATCTGGATGTTTGGCTTGGGCGGTTTGCAATGGTAGGAT
TTGCAATTGCAATTAGTGTTGAAATTGCAACAGGCAAGGGACTTTTAGAGAACCTTGGAGTTACGTCTCCCT
GCCTAGTGTTGGCCTTGGCCGTTACTGCATTGGTTGGCGTACTGACTGCAGTTTTCATCTTCCAATCAGCTACCA
AAAATTGAAGTCATCTAGATTGCTTTTACTCGTTTTCTGTAAAGTTTGAATACTAAAATATGTTTTCCGTGATA
TTCATTTTCATTCAATTGTAATATTCTCGAGTGTGAACAACGGCCAATCAAGTTTGAATGTACAATGACTAATAG
AACTTTTTTACAAAAATCTCCCCATCAACATCAATGATTCAATGACTTTGTTTTCNAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4526 NR_022067|Arabidopsis thaliana (AT1G11185) otherRNA

ATTACTTAACAATCTTCTTCTTCTTCTTCTCTCACTTAATCAGAAGCTTAGATAGATGGCGGGTACAAGGA
TCAACGCAATCAACGGAGGAAATTTGTCGAGGAAATATTCCGACCGTCTGATTCCAAAACGGGGTCAAGTGA
AATTGGCAATCATAGTGGGTATTGCTCACTCAGTGAATTCGATATTCTCCAACGGCAGCCGGAATGACTGTG
GCGGCCGAGGAAGGGAACGAGTTAATCGGGACCGTTGAGTTGGTTTTTGAAAAATCGACGGTCCTGATTTT
CCGAGTGTGAGCGGTTCAAATTTATCGAACGTCACAGATTAGACCTGAGAGATCTTCCGAATTGTTAATTG
AAAGAAGAGGAAGAACCCGACATGGCCTTTTTTCCATGGCGTCAATCAATTTGTGTGTGTAATTTTTTTTTT
TTATCTTTATTGTTTTCAAGTAGTTGTTCAATTTATGGTGCGAGTGTGTCTGTAAATTAGCAAAAGTGCTTAATT
TACTGTTAAATAATAATAATAATGAAGTAATGTAAATGAAGTGTTGAGGGAATATGGAACCTCTCGTTTTTGT
TATTTTGGTTATTGAATTGAAGGGTTAAATGAAAGATTTGATTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4527 EF502022|Ammopiptanthus mongolicus EBP1 gene, promoter region and complete cds

ATCAAATTCACCGTTTTGTTGATGCCTAATGGATCCGACCGAGTCACATCTCATCCTCTGCAAGATCTGCAGCC
TACAAAAACAATAGACGATCCTGAAATCAAGGCATGGTTAGCATTGGGCATTAAGACAAAGAAAAAGGGTGG
TGGAAAGAAGAAGAAAGGTAAGAAAGGAGATAAGACAGAGGACCCTGCGGATGCTGAGCCCATGGATACC
ACGGCCAATGGTGCGGCATCCCAAGAATGAACATCTACACAACCACATCCTTGAAAAAAGAAAAAGAAAA
AAAAAGAAATTAGTAATTCCCCTCGCCTTTTTCTTCAAATTTGGGTCTGCCCCACCGTTGATCTCATTTGTAT
ACGATGAGCAGGTGAGTGTAGTTGCCAAATAAAATGGTGAACGTTCTTTATTGGGTATTATTAATGAATCCA
ACCTCTTTTGTATGGTTCGACATACTTTGCTTTTTTTTTTTCTCTTTCTTTTTTTTTTTCATTTCAAACCTCCATGGA
TGCGTTGATTGTCTCTCGAGATGTGCAACTGAATGAGCCTAAATTTATTTTCTTTACTAATCTTTTCACTTCNAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_4528 NM_001073456|Oryza sativa Japonica Group Os12g0533500 (Os12g0533500)
mRNA, partial cds

GTGGCATTGTGCAGGAAAAGAGGTACCAGCTCAAATGAAGAGATTCATGATTGTGATAGCACTCTGATAAAT
GGATCTCCATTCCGTAATTCCAATGGTTCTTGCTGTTTGGATGAGAATTTGAATATTGTGTAAAGATAATCAG
ATGGCTAGAATGTGAAGGATATATAAGCAAGAATTCAGATTGAAATTGTTAACATGGTATAGCTTGAGATCA
ACTGAGCGCGAACGACGGGTAGTTAACTCTTTATTCAAACCTCTCATTGATGATCCTAGCAGCCTGGCCGGAC
AGTTGTTTGATTCATTTTCTGATATTATTTCTGCAAGAGGCTGCGAAGCTTATAATGCCAACAAGTTCTATAGT
GACGAATGGAATAAGGGCAGCTCGGTTTCTAACGTAGAAGATTGCTGTTGGCCATATTGTAAAAGTTTCTCAA
TTTACATTGACCTCCTATTGTTTGCCATTCTTGTCAGCTATTTTATCCCTGGTCACTGTCTAAGTGATGATGAT
GGCCTTATGCCATAGTAATATTCTCCGATTGCATCGAATCGGCAATTGTAAGAAGCGATTGCAATTGGAGGC
AATGCTTGTAGGCTCATTTGTTATCTCTCAAAGACTCCAACCTGCATTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4529 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTCCCCCTGGGGAAAAGGGGGGTTTTTTTTAAAGGGATTATTTTGGGGGACCCCCGGTTTTTT
TCCCCCGGGGTTTTAAAAAAGGCGGCGGGGGGGGGTTTTTTTTTCTTTTGGGGGGGGGGGGGGGG
GGGGGCCCCCCCCGGGGGGGGGGGGGGGTGAAAAATTTTGGGGGGGGGGGGGGGCCTTTTTTTTTTTTTT
TTTTGTGTTTTTGTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAACAATAAAAGAAAGAGCTTACAATTAA
TGAATATAGATTACAGCTCTCAAGTTTATGATAAAAAAGTTAAAGAGGAAGATGACAAATGAAGAGAAAAGA
TCAACTGTCAAGCCACAAAAGATTACAGTACAGTTCAACTAATGAAACCAACACCATTTAAAGACAAACCA
TTTGTGTTAGTCCTCTAATGTTTGCAGGTTCCAACGAACTGAAGCAATGTGGGGTTTCAGAACCAATGCAAT
GCAAAAGTTCAGCTTGCAGTAAATTTCCATGACCAACGTGCTCCAAGTGTTAATCATCATCATTACTAGGGT

>trans_s_4530 AF190894|Lycopersicon esculentum PSTVd RNA-binding protein Virp1d mRNA,
complete cds

CTCAGAAGTCAGGATCAACCAAATCCTCGAACCTAGCGCTGCACCGTGTTCTTCTTTGTTTTTTTTCCCTC
CTTCGATCTTTTTCTTTTTCTTTTTGTGCGGCGGCGAGAGGTTCTTTGGGGCGCGTTGGAAACTCGTTC
CGGGAGATTCATGTGTAATCCTTCAACCACATTGGGAAATACTCGACGGATCCCTGTCGGTATCCTACTGCAA
ACTTCGGATTCCGTACGGGAATGGCTTCCGCCGTCTTAGCTAACCGAAACGAAACCAATTGGCCGCAGCCGAG
AGGTAACGGTTCGCGGTACGGAAGAAGGATTCATGGGTAAAGTTCCTTTTTCAAACCTAACCTAAATTTAAC
AAGAAACAGTTCAGGGCGAGATGAATGGTTTTAGATGGATGATTCTCCGGCTGTGACTCAATCAGCATCAG
ATGATGCCTCGTCGATCAATCATCATCGCAGATTGTCCAACGGCGTCGATTTTAGTCAATACGTGAGCTTTAAC

GTTTCATCGTGTTCAAGAAAGGAACTGATCGAGCTGAAAACAAGGTTAATCTCCGAGCTAGAACAGATACGG
CAATTGAAAAGTCAATCAATTCGGGTGAACTGCATTCCAGACCAAACAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAA

>trans_s_4531 Novel Gene

ATATTATATTCTCATCTCTATCTAACAAAAACCCCTAAAAATGGCTGCCATCAAATCCCTACTTTTCATATCTCTT
CTCGCCCTTCTCTTCTTCTCCGAATCCCTATCCACTTCTGCCGCCGATTGCCGCGGCGCTTCCAATTCTGTTACAG
GAATGCTCCGCCGTAACTCCTTCAGACGGCGACTCATGAAATTGCAGATTCGGAAGGGAAGATGAATGTTT
ATATCAAAAGAGGTGGAGGGGGGCGGATTTCGACCTGTAGCGGCTGGCACTGGATTAACTGGCAACCGTAA
TCAGCGGCGAGTCGGAGCCAAGTCGCTTCTTTGGCCTTGATTCTCTCTTCTTCTCACGATTGTTCTTGTA
ATTCTGATTGATTTTATTGGTTTCTATAAAAACTGAGATTTGTTTCGGATTTTATTAATTCATTCCGTTCTTTTT
GTTTGATGATAAAAGAATGATATGTTTGTGTCAGTGTGTTATGTGTTTATGTCACATCTAGCCAAATGAGCTAA
AGGCGACGAGATTGCATTTCCGACTATTGTACTCGATTGTATCGTATACTTATGTCAGGTTATATTGTTAGTT
GTTATTATATAAATGATACATTTAATTTTAAATTTGATCGAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4532 AB092679|Lotus japonicus ASTRAY gene for bZIP with a Ring-finger motif, complete
cds, ecotype:Miyakojima

ATCTATTGGTTCTACCCTGCCCTTCACCTGCCCCAAGCTATCATCTTCTGCTTCTTGCTCCTTTATCTTTGCGATG
ATTCTTTCTTGTTTCGATTAATCTAGATTCATGATTTTGATAATTTCTTGAATTATTTTGAAAGCATGTCCAATCT
TCTGATGAACTTTGTTGATTTATTATTCTATGTGTATGATAAGGCTTGGTTGCGATGATTATAAAAAATCCTCG
TTCTGAATGCTATTGCCATGGCATGACAGACACCTTACACCCATAGAATATGAGCACCATGCCTTTCTTAATCTC
TACTTGTTTTCTTCATTTTTTGAACCTCTGCCTTTGATCTTAGCTGTATACATTCGTTTCGTGTTAGTATAATTAGG
CTGATGTCTCAGTTCATGCATGTGTTTGGATCTGTGAATAACTATTAGAAGATACTCTCTTGAATGATCATTGC
CGGATAGATGATGATTTGATTGTAACGGAGTTGAAATTTTTGGATCCACAGTGCATGTTCTTGATCTGCACG
GGGAAAATTTGGAGCTCCAATAAAGATGTAACGGAGGTGTTTAAAGCCCTAACCTGTTAGTATGAATGCTCCT
GAGGTTGGGGTTACGCACACCACCAAAATTTTTTCTAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4533 AY104452|Zea mays PCO122208 mRNA sequence

TCGGAGAAATGGCGTCGGTGGTGCGGGGGATTCTGAAATCCATCAAAGACAAAGGGATCGGCACTTTCTGGA
GAGAGCTCAAGGAAGAAGGCTACTTGAAATGCTTAGCCGATGGAAATCTATTGCAAACAAAGATCCACAACA
TTGGTGCGACACTAGTGGGTGTTGATAAGTTTGGTAATAAATATTACCAGAGGGTTGATGAAGAGACTCAATA
TGGTAGGCACAGGTGGGTGGAATATGCAGAGAAGGGTCGATATAATGCTTCTCAGGTGCCACCCGAATGGCA
TGGCTGGCTCCACCACATAACTGATCATACAGGAGACGAGCTTCTGATGCTGAAACCGAGCAGATATGGAATT
GAACACAAGGAAAATTTTCTGGGGAAGGTGAAGAATTTATCTACCATTCCAAGGGACATGCTCTTAATCCCG
GACAGAGAGATTGGACTCGATACCAATCATGGCAACCAACCAATCATAAGTAATTTGTCTTTCAACAATCCCT
TTGTTCAATTTGGAATCCTTGGGATATTGGTTTGTCTTTTCTTTCTTCTGAATAAGCGACTTGTTGTCTATA
CAAGCTGTGAATTATTTTTCATTATGTTTTACTGCACAACCGATAGAGGAATTTTCAGCATGGTACTGATTTTC
AGGTTTT

>trans_s_4534 AY846819|Triticum aestivum ribosomal protein L36 mRNA, complete cds

GGCTTCCATCGCCTCCGATCACTTGGTTCAGCTCCTTACGAGAAGGCAATGGCTCCGAAGCAGCCGAATACCG
GTCTCTTTGTGGGACTTAACAAAGGACACATAGTTACAAAGAAAGAGTTGGCTCCCCGCCCTCAGATCGTAA
AGGAAAAAGTAGCAAAAGAGTTCTTTGTGAGGAGTTTGATTCTGTAAGTTGCTGGCTTTGCCCCATACGAG
AAGAGAATCACTGAGCTTCTTAAAGTTGGAAAGGACAAGAGAGCACTTAAAGTGGCCAAGAGAAAGTTGGG

>trans_s_4535 NM_115708|Arabidopsis thaliana ATRBL15 (ARABIDOPSIS RHOMBOID-LIKE PROTEIN 15) (ATRBL15) mRNA, complete cds

>trans_s_4536 AM062702|*Alnus glutinosa* mRNA for alcohol dehydrogenase (adh1 gene)

>trans s 4537 BT004680|Arabidopsis thaliana At4g39300 gene, complete cds

[illegible]

>trans_s_4538 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

ACGATGGATACTAGGCGCTGTGCGTATCGACCCGTGCAGTGCTGTAGCTAACGCGTTAAGTATCCCGCCTGGG
GAGTACGTTTCGCAAGAATGAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTA
ATTTCGATGCAAAATACCCGAATCTCGTCTCAATCATCATTTGTCAGGACTATTCGGAGTAAGTTCCTTGGCTTG
AGTGAGACATTTAGTCCATGAGCGGTAAGGACGTTCTAGGGGAGAATCTGTTTCGATGGAATAATTTCTTAGAT
GTATTGCCACATCCCCAAGGATTAGGACCACTTTTTACAGGTCAGTGGAATCTTTATGCTCAAAACCCCGATT
AGGCGGCTGCCCCGCCAACGTCCCCGAAGGAGCAGGAAGTCCATTCTAACCTTCTCGGTGGATTCCATCCG
CAAACGCAAAGTTTATGGCTGACTGATATGGCTCATCATCATTTAGCTATTGCATTTATTTTCTTGTTGCTGGT
CATATGTATAGAACTAACTTCGGGATTGGACACAGTGTGAGGTTAGAGGCAATGATGTGGAAAACTACCTA
TTTTCTGAAGGAAGTTCATCTTCATGTGATTATGAAAATCACCAATTGATCCTTCTGAGCCCTTGGGCTGATATT
ATATTGG

>trans_s_4539 AY389653|Hyacinthus orientalis ribosomal protein L34 (RPL34) mRNA, complete cds

CTCTGCAGCAGGCTCAACACCCAGACCGGCGAAGAAGGGAGGAAGAATCATGGTTCAGCGTCTTACATACCG
CAAGCGCCATAGCTATGCTACCAAGTCTAACCAGCACCGTGTCTGTCAAAACCCCTGGCGGGAAGCTTGTGTAT
CAGACTACCAAGAAAAGAGCTAGTGGACCCAAATGTCCGGTTACCGGCAAAAGGATTCAGGGGATTCTCAC
TTGAGGCCAGCTGAATATAAGAGGTCTAGACTAGCTAGGAACCGCAGGACCGTGAATCGTGCATACGGTGGT
GTTTTATCTGGCAGTGTGTGAGGGAGAGGATCATCCGGGCCTTTTTGGTGGAAGAGCAGAAGATTGTCAAG
AAGGTATTGAAGATTCAGAAGGCTAAGGAAAACTGGCATCAAAGAGCTAAATTGATTGTGTTGGTGGTTTTT
TTTTTTAGAAAATCGATGAAATTTTACTGTTTTTGTGATGTGATGCTGAATTTAGCGATTACTATTTATTTA
AAGTTTGTTTTTGGAAGAACGATGTAGAAGATGTCAAAGTATTGACTGTTTTTAGCATTGAGTTGATTGAAG
ATTTAATTAAGACNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_4540 XM_002890110|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AAGCGAAATACCTTGGTGTCTGGTGGTGTAAAGAGGAACCTTCCATGGATGGCACCTGAGCTACTAAATGGC
AGCAGCAATAAGGTCTCTGAAAAGGTTGATGTGTTCTCTTTGGTATTGTCTTATGGGAGATTCTCACAGGAG
AGGAACCATATGCGAACATGCACTATGGGGCTATCATAGGGGGTATTGTGAATAATACATTGAGACCAACCA
TACCAAGTTACTGTGATTCTGAATGGAGAAGGTTGATGGAACATTGCTGGGCGCCAAATCCTACAGATAGGCC
ATCCTTCACTGAAGTCGCTGGGCGGCTGCGCGTTATGTCAACAGGTGCTAGTAGCCAAACAAAAGCACCAGG
TCCCAAAATACCAAGGTCATAATGATTCAAAAAGATTGTTGAGTTATTCATGCTTTCCTTATATATATTTGTT
CATTCTATTCTACAGTCTTGAAAATTGTGTGTATTTTTGTCAATAGAAGGTAGATAAGTGTCTTCTTGGTGTGA
AAATATATTATTGTGAACCTCATATAATTCTTTATTATAGTTGATGCAAAAAGTATTAAGAAAAAAGAA
AAAAATAGTCATAGCCAGGCATTGCTGCAATTGATTTCCAAAAAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGG
AAAAA

>trans_s_4541 AB441167|Fagus crenata CP12 mRNA for chloroplast protein 12, complete cds

ACTTAATTCTGATCTATTTTATCCAATCCACCGCTCCATTCTCCGATCAAGAAACAAAAAAGAAAAAGAAAAT
GGCAGCGATCACCGGTTCTTCTATGGCGGCTACAAAAGCAGTGACTGACTCACCGAAAATCGAATCGCCGGT
ACACCGATCTCCCGGCTTAGCTACACATGGAAGCGGTGGACCTCCGGTCGGATGAGCGCAGTTGGACCGGT
GGCAGCCGCACCAGACCGGATATCGGAGAAGGTGGTGGAGAGCATAAAGAACCGCGGAGGTGACGTGCTCG
GAAGATCCGTCAAGCGGCGAGTGTGCGGCGGCGTGGGATGAAGTGGAGGAGCTAAGCGCCGCCGCGCAGCC
ACGCACGTGACCGGCTCAAGGATGCGGACCCGCTTGAGGATTTTTGTAAGGATAATCCCGAGACGGAGGAGT

GTCGCACGTATGAGGACTGAGTAATTTGATTTTATTTGCAACTTTTTCTTTTCTTTTTGGGTTTATTTCTTTT
GGTTAAGGTAGAAATGTTATTTGGGTGCGTTTTGTTTTCTTTCAAGTTAGGAAGGTTGGGTGTGTTGTATG
TGAAATAAAAATTACTATAAAATATTTAGTTTCCGTTATTATTATTTTTCTTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_4542 Novel Gene

ATACACACCATATACTCAGATCAAAGAAACAAGAAAAAATGTCTGTTGTCACTGAGGAAATCAAAGGCAAGA
CAGAAGAAGTGTACCATGGAGATGAGATATGCCAAGAGAAATCAAAGAATTACTCAAAGAAATAGGGCTTC
CAAATGGGCTTTTGCCATTGAAAGACATTGAAGAATGCGGGATTATAAGGGAAACAGGTTTTGTTTGGTTGAA
GCAGAAAAAAGCACAAACCCACAAGTTTGAGAAGATTGGGAAGCTTGTTCCTATGCTACTGAAGTCACAGCC
ACTGTAGAGAAGAACAATAAAGAACTCACTGGAGTTAAGACCAAAGAGCTTTTGCTTTGGGTTTCACTGA
GTGATATCTATGTTGATGATCCACCCACTGGAAAAATCACCTTCAAACACCAGCAGGCCTATTTAGGACTTTT
CCAGTTTCAGCTTTTCAGGTTGAAGAGCCAGTAAAGGCAGCGAGTGAGAAGAAAGAACAAGTGGTGGGAAC
TGTTGAAGTCAAGGAGATCTAGACAGTAAATCTATTCTAGCTATGCAGTTCTTCTGATTTTAAAGTTCTAAACC
CTTTGTTTTGTGGTTTCTTGTCTTTACTTTTTACATAATGGTACCAAGGTGAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_4543 XM_002873869|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L33 family
protein, mRNA

ATACCCCGTATTCTTCCATTTCTTCCACAATTCCCTCCGTCTACCTTGCCGCCGATCAGCTGCGCTGCCTTCAC
GCCGTCGCCGCCGGAATGGGTGACAAGAAAAAGAAAGCTACCATGTTTCATCCGACTTGTATCAGCTGCAGG
GACTGGATTCTTTTATGTTAAAAGAAAGCCAACCAAATTACAGAGAAGCTCGAGTTCCGAAAATACGATCCT
CGGGTCAATCGACATGTTTTGTTTACGGAAGCTAAATGAAATGAAAGAAGAGAGGAATAAAAATCAATTAT
CCTTTCAACCTGGATCTATTCTTCTTTGGTCCATAGGTTTTGGAGCTTTGCAATTAGTCTTTTTCTTCTCCATTT
TAGACTGATGTCATATTTGCTAGTTTTTCCCATGACTCATCTTCAGCCTTGTGGAACAGTATTTTGTACATCA
ACTTCTATGGCCACGAATTGTTTGCCTCTTGATTTCTTGTGGTCAAATGTGTTGAGATAAATTATAAGATATAAC
TTGAGTTACTAAGCTTGATGATTGCATCTTAGATTTGCGGGGATGTTGGTGGCTCGTAATGTGATTGGATCTA
ATGTAATAAATGCAAAATCCTTATTTGGATTTAGTGGTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4544 AF049930|Petunia x hybrida PGPD14 (PGPD14) mRNA, complete cds

CACTTTACTTTTGTCTGAAATGTTTCATTTCTTTTCTTTTGTGTGATGAGAGTGAATGCATAGAAATGAGTA
CTTTTAGATGTACTCAAGTATTATTCATATAATATCACAGTAGAAATTAGAAAATGGTGTTCAAATGGCCATCA
CTATGGAGTTTCTAAACCAAAATAATCTTCAAACCGTGCATGTGGATTGAGGTTAACAACGATCGAGTATATC
ATAAGCTTTTGATTCTGTTAAAATCTTAGTACTTTGAACGAAACAGGTCTGGATTCTTTGCAACGATTGTGGTA
CGACGTCGAAGGTGCAGTATCATGTTGTGGCTCAAAGTGCTTGAATTGCAAGTCGTACAACACCAGACAGA
CCAGAGGCTAAACAGATGTGCATATGAAGGCCATATTCTATCATCCTCCAGCTCTGAAATGCCTTTATCTCCAG
CTACTTGAGCTCCATTTTCATGCTGACCTTCGAGCCACACTAGTCATTCTTGAGCGGTGGGGAAGACGAAGA
CGACGATGACGTAGTTCTGCAGCCTCCTCAATGACATCGCATATTTTTATCTTCTTTATTTGGTTGATATCTTG
TATTCTACCTTTCTCTCCATCATTCTATTGTTTGGTGGTGTCTGGATTGGTGTATTTGTGATTTTTCCC

>trans_s_4545 AF406809|Tilia platyphyllos glutaredoxin (Cl31) mRNA, complete cds

GTTTCTTCCTTGATCTGTGTTTCTCATTTCTTTCGGAGCTCTCATCATCATTAGGGTTTTCGAATCGAGAGAA
AAAAAAAAAATTAAATCGATCATGGCGTTGGAGAAGGCTAAAGAGATCGTGGCTTCTAATCCCGTCACCGTCT
TCAGCAAGAGTTACTGCCATTCTGCGTCCAGGTGAAGAGATTGTTGACTAACTAGGAGTCAGTTTCAAGGC

TATTGAATTGGATACTGAGAGTGATGGAAGGGAGGTACAAGCAGCACTTGCTCAGTTTACTGGGCAACGGAC
CGTGCCCAATGTTTTTCATAGGTGGGAAGCACATTGGTGGCTGTGATGATACGATGGCACTGAACAGCAGCGG
AAGATTGGTTCCTCTGTTGGCTGAAGCAGGAGCAATTGCCAAAGTTGCTGCTTAGAGAAGGAGTGTGAGTAT
GTTATTACTTAGGGTACATATAGATAAATAATAAACCTACCTTTCTACTTGTGCTTTTCTTGCTCTGTTGTTGGC
ATTTCTAATGAAAAAAAAGTGTTCATAGTGGATTGTAGAAATAACTGGAAGGAATCTATGCTTCCTTTGCAT
CTAATGATATATTTTTGGGGTTTCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_4546 NM_001071082|Oryza sativa Japonica Group Os10g0401000 (Os10g0401000)
mRNA, complete cds

AACTAAGGAGCATTGAAAAATCACAGCCATGGCGGATATTGCAATTCTGTAGCAGAGGAATACGAGAGGAG
GACGAAGCATCCAAGGCGAGATCAAGAGATGGTCAGGCAAGAGCTTCAAGATTTGGGTTCTGGGGTTCCAT
ATCTGCAACTGCTACTTCAATTACGATGAAGAAGATGATGGAAATGGCGAAAAGACATAATTACTCTGCCGAG
ATATCGGAATTCAATCGGGTTTTTGAACCCAAATCTCAAATTGGCCGAGCTGCTTCCACTGGGTTCTTCTCAGC
TTGAGTTCCTCTGTTCTTGAAATTGGGTTTCATATATTGTAAATGTTTCTCATCTCTCCCTCTCTCTCCCTCTCTC
CCTCTCAAATCTGTACATGTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGGATTCCATTAGTTTGAAATTA
AATGCTTTTGAATTCGAGAGAAGAAAGGTGGGATTGTATTATGATTGATGATTATTAACCATATGAATGTTG
GGAAAAGAATGGGTGATTTGGTTTTCAAGAAATGATTGGGAGTTCGTACAGGGGTGTGTTTAATTTTTAGTT
GTTCTTGAAACATAAAGCTTAATCTTAATGTTTATGCTTTGGGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_4547 DQ785847|Cucumis melo subsp. agrestis maturase K (matK) gene, partial cds;
chloroplast

GAGGAGAACTCTTGTCTTCTCCTCTGTAATAATGAGAAAGATTTCTGGATATACGCAAAAATCGATCAATAAT
ATCAAAATCCGACGAATCGATCCAGTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAATTCGCTTTAG
CCAATGATCCAAGCAGAGTAATAATAGGAACTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAAATGA
ATTTTCTAACATCTGAGTCCATACCACTGAAGTATTTAATCGAACACTTGAAATATAGCCCCAAAAGTCAAGAG
AACGCTTGGATAATTGGTTTATATAGATCCTTTCTGGTTGTGACCACACATAAAAATGACATTGCCATAAATTG
ACAAAGTAATATTTCCACTTATTAATCAGAAGTGCGTATCTTTTGAACCCAGAAATAGATTTTGCTTGATATCTA
ACATAATGTATCAAAGGATCCTTGAAGATCCGTAAGATAGCCGAAAAATAATTAGCAAACACTTTGACAAGAT
GTTTCGATTTTTCATAGAAATATATTCGCTCAAAAAAGCCCCTATAAGAAGTTAATCGTATATGAGAAGATTGG
TTACGTAGAAAAAGGAAAATGGATTTCGATTACATACATAAGAATTGTATAGGAACAAGACTAATCTTCGAT
TT

>trans_s_4548 DQ320569|Cucumis sativus acid alpha galactosidase 1 mRNA, complete cds

ATATGCTGATTACGCAAGACCCGGTGGCTGGAATGATCCTGACATGCTGGAGGTTGGTAATGGAGGGATGAC
TAAAGATGAGTATATCGTTCACCTTAGTCTTTGGGCCATATCCAAGGCACCCCTTCTTCTTGGTTGTGATTTGAG
GAATCTAACAAAAGAAACAAAGGAAATCATTACGAACACAGAAGTCATTGCAGTTAACCAAGATCCCCTGGG
CGTCCAGGCCAAGAAAGTCAGAAGTGAAGGTGATTTAGAGGTTTGGGCAGGGCCTTTTCTGGCTACCGAGT
AGCGGTTGTGTTGCTGAATCGAGGGCCATGGCGTAATGCAATCACCGCGCAATGGGATGACATTGGTATCCC
TCCAAACAGTAATGTTGAAGCAAGAGATCTTTGGGAGCGTACTACTTTGAAAACCTACTTTTGTGGCAAATTTG
ACAGCTACTGTGGATTCTCATGCCTGCAAACCTATATATTTTGAAGCCAATTTCTTGATGTTAGAGATATTGAATT
CCACATTTGGACATGGTTTGTCAAGGAAATAAGGTTTTTGTGAACATTTTGTCTGATTTATTTATGGAACATT

TTTGTCGCTGCTTCAATTTCTTTGAAGCTCTCCAAGTTTGAGGAAAATGAAATAAAATGTCTGCATTAATTAG
GCTT

>trans_s_4549 AJ437269|Cucumis sativus mRNA for isocitrate dehydrogenase

TCCTGATGGAAAGACAATTGAAGCAGAAGCAGCTCATGGCACTGTTACACGACATTTTAGGGTTCATCAAAAA
GGTGGTGAACCAGCACAAACAGCATAGCGTCCATCTTTGCTTGGTCTCGTGGTCTTGCTCACAGGGCAAAAC
TAGACGACAATGCTAGTCTCTTGGAGTTCACCGAGAACTAGAATCAGCTTGTATTAGTACTGTGGAATCTGG
AAAGATGACCAAGGATCTTGCTCTTATCCTTCATGGATCCAAGCTTTCTCGTGACCAATATCTGAATACTGAGG
AGTTCATTGATGCTGTTGCAGAGGAATAAATCCAGACTCCTCAAGGCATAGTGGCTAGATTGTGAAGACTG
ATTGCTGAAATACATGAAATGAAGTAGAGAGGCGACAGACTAACAAAAACGGGAAGTGTGTTGAATCTGTTG
TTGGGGGCTCTCTGAGGTTACTGTTTTGTTCTGTGTTTGAAAAATGTTGACTTCAATTGTCAAAAGTTGTCATA
ATCTATTCCCATTCTAGACTTCGCTTGAACTGGAATGTGTATTTTTGTCTTTTAGTTTTAGTTTAGTGAGTTG
CTTGCAATAAGTAATCAATAATCATCTTGGTTTTCTGGTTTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4550 AY271664|Gossypium barbadense fiber protein Fb14 mRNA, complete cds

AACTTCCACTCGTCCTTAGCGGTTGGAACACACCAAACACAACAAGACTCCGATTCAAGTGCTAACCTCG
AGAGATTCAAGATATGGCGTCAGGGTGGGGAATCGACGGAAGCAAGGGCCGATGCTACGATTTCTGGATT
GATTTTAGCGATTGTATGTCCCGCTGCCGAGAACCAAAGGACTGTTCTCTACTCCGTGAAGATTACCTCGAGTG
CCTCCACCATAACCAAGGAGTTCCAAAGACGAAACCGTATTTATAAGGAGGAGCAGCGGAACTAAGGGCAGC
TGAACGGGAGGCCAAAGAGGGTAAACATGTTGATACTGCTCATGCATAGTCGTAATTATCATTCAAGAGATCG
AATAATGAAGAATGCGTGGACATGCGTTGTTATTTTGAACACTTTTTTTTCTTTTGGCTTGTTAATGACATTCT
ATTCTGTCTTTTCTGAATCCGGTATGAAATTCACAAGTCATGCAACTAGGCGAATTCGTATATTTTTTCATTCT
CCATCAGAAGGATAGCATTTTCTGCTTGAAGATGATGTTAACCATGTTATTGGCACTTAAAATCTTATTTCCAA
GTTCTGGTTTAATCAATAAGGCTCTAAGCAGATTGCTATTCCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4551 NM_001057442|Oryza sativa Japonica Group Os03g0681700 (Os03g0681700)
mRNA, complete cds

CCAGAAAGTGGATACAGCTGTAAGATCTTTGACGGTTATGTGGGATGGGAGCTTGGTAGTTGCAGCAAATAAT
CATGGCACATGTTACGTCTGGCGCTTGTTACGTGGCACCCAGACGATGACAACTTTGAGCCACTTCATAAACT
TCAAGCACACAAGGGATACATTCTCAAGTGTCTTTTACCTGAATTCTGTGAACCCCATCGATACCTTGCCAC
TGATCTTCTGACAGCACTGTCAAAATCTGGAACGTGATGGATTACATTAGAAAAGACCCTTATAGGACAC
CAACGCTGGGTGTGGGACTGTGTCTTCTCAGTTGATGGTGCATATCTTATAACAGCTTCTTCTGATACTACTGC
AAGACTCTGGTCCATGTCAACTGGCAAAGAGATGAAGGTTTATCAAGGTCATCATAAAGCAACTATTTGTTGT
GCCCTTCACGATGGAGCCGAGCCATCGTCGGGTTGAACTGGAGTTGGTGGCCATAGTGTGTGGTATACAGC
CACCTCCTTTTCCGTCAATTTGTAAATTATAAAGATATTTGGTTGAGTCTTCCAGTAAGTGACATATTTATAAATC
AAACAATTTTATTCTTCGGCAATAGAGCTAAATAATTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4552 HM461980|Vernicia fordii glycerol-3-phosphate acyltransferase 8 (GPAT8) gene,
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAAAAACATTGATATAGTTATGCAATCTTTGGACCAACTTTA
GTGAAAAAACATATCGTCTATCGCTAAACCTACAATACATTTTTCAGTGTTTTCTTAACCAAAATCCCAACAC

>trans_s_4553 NM_126148|Arabidopsis thaliana BT4 (BTB AND TAZ DOMAIN PROTEIN 4); protein binding / transcription regulator (BT4) mRNA, complete cds

>trans_s_4554 XM_002330269|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP82C14P), mRNA

>trans s 4555 BT010772|Arabidopsis thaliana At4g33960 mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_4556 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

CCAAGCATATATAAACGGGTGAGTGATTCAATGTAAGAAAAAATTTAGTGGATTCCGTTTTCAAGAGTTACA
ATTATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAAT
GTTCAAGTGCTTTCTGGGTCGTCTCAACCCTTGCGATGGGGCTTTAGCCCCAAAAATATTGATACCCCTACA
TCCAAGGATTTACTTGTTACTAATAGAGTCTAGCCTATGTTCTTCTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTAT
TATAAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGAATGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTGAATAGATAAAACATAA
TCTGTATTATGGCATATATATCACCTATTCTAATGGATCTTACGGAGCCTGGTCATGCACGACATGGTCAAGTC
TGATCATGGAAAAGATTCTCTTCAAGCGAACCAGCCTACCCTCTGTATGGAGCTTTTCGCGGTGGTTGGAATAA
AGACACATTTTGTGTGAATCCCAATGTGGCAGATAAAAAGACATATATCTACACGGTCCAATCAAGAGGGTT
TTTTTGTACTCCCATAAATCCATTTTCTCTCGAAGAATTCCCTTCACTATTATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGT

>trans_s_4557 AF085279|Arabidopsis thaliana ABA-regulated gene cluster, complete sequence

CGGAATAAGTGTGGTAGAGTACATGGCTGCAGGAGCAATCCCAATTGGTTGGACACTTATTTTCAGTTCAATT
TTATTTATTTTTGTTTGGTTTAAAGATCTTCAGTGATTGTTTGGATTGGTGTATGAATGTGAGACCCATATTTT
TCCTTTACGTTTCAGCTCATAACTCTGCTGGACCAAGATGGACATAGTTCTTGAAGAAGACAAACAACAACT
GGATTTCTCGCCACCAATGTGGATGAATATGCAGATGCTATTCTAAAGATTCTAAGAATGCCCGAAACAGAGA
GACTCAAAATGGCTGCCGCAGCAAGGAGACGTGCAGAGAGATTTTCTGAGCATAAATTTACGAAGATTTC
AGGCAGCAATCCGGCCAGTCTTCAGCTCGGTTTCAAGGTGGCATTGCAAGTGAGTAATTGCACCAAACACTGT
AATTGATCTTTATACTGAGTTCTTTTGAAGGTATAAATAGTTGACTCCTCGGAACCATGAACCTCTCATGCTAA
ACACAGATCAGTTTTTACACCAATACTTAGCTTAGTTAATTTTAGTTTAAATTACAAATTCAGACCTTGAATTTG
TGTTAGATCAAATTACAAGTTCATGAGTCTACTAAAAGACAAGTGAGTTAATGTTCCATTAGATCAAATTCAAA
TT

>trans_s_4558 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ACGGGCAGAGCCCGCGTCGACCTTTTATCTAATAAATGCATCCCTTCCAGAAAACATTAGATAGAAATGAAGA
AAGGAAAAAGGAGGACTTTTAAATATAACCCGATCTGTCCAACCTGATATGTATGGTGGAAATCCAATTGATT
TTGACTTCAAGCATTAGATCGCCTGTCTCAGTTAAGAGGAGTCATGAACAGAACAGGTTCAAATCACGATCA
ATTCCTTTTCAAATCCTGCGGCAGCTGCACGAGCCCTTCTGCATGCCATAAATGACCTACGAATAGGAAGAA
TCCTAGAACAAAATGAGAGGTAGCTAACCAACTTCTAGGAGAGTGTATTAAGTACGCTGGCCGTTCCGGTAGCT
ACGCCCCCACGGAATTTAAAGAACCTAAAGGAGCATGGGTCAATATTCGCGGAACGTCGTTCTTGCCAAAG
GTTGGATGTCTTTTTTCACTCTACTCAAGTCCAAACCATTAGGACCCCTTAGTGGTTCTAACCAAGGAGCACGC
AGATCCCCAAAACGCATAGTCTCTCCCCAAAATGACTTCTCCAGTCGGAGAACGCATTAGATATTTACCTAA
ACCAGTAGGTCCTTGAGCGGATCCAACGTTAGCTCCAAGACGTTGGTCTCTAACTAGAAAAGTAAATGCTTGA
GCTT

>trans_s_4559 EU335522|Persea americana isolate Ver16_2 flavanone-3-hydroxylase (F3H) gene, partial cds

TCTTCACTCTCCTCCCAATTTCTTCACAGCAGAAGTGCTAAGTTTCTTCATCTTCCTCGTTTTTCTTTTAATTCATT
TTGTTGTTTTACATTCTTGATCTTCCATTGCAATGCCTCCGACGATATAGCCATTAATTCGTCATGAATTAGCG
GCGATTTCTGATCCTATGGATCGAGGAAGCACAAATTTATTGCAGGAATGTTGAGTTACTTCGCCTTCGTTCTT
CTCAGGCGTAGTTAATTAAGCCTGCTATATTTCTTGTCGATCTCGATTCTTCTGTTATCTCTTGCTTTGTTGT
GTTCTTCTTTTTTCACTTACTTGAAACTGTTTCTTTTCCCTAATTGTGTAGATCTGTGTTTTTGTGTTTTGATTTTTT

GCTCTTGATTTTACTTGAACAATCTTTGTTGCGTCTTTGAATGTGTCATTTCTTTGCGGCTCCTGTGATGGCA
TGAAATCTTTGAGACCTGATAGTCTAATTTTGATGACAATCACAAGCATAACTCTGAGGAGTCCTTAAGAATAC
GTATTTATTTGATTGTTGTTGATTTTTTATATATATTTTTTGAATTTTGGCTTTTGATTAANAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4560 DQ191664|*Solanum tuberosum* ribosomal protein S27-like protein mRNA, complete
cds

CTTCTTCACCTTCATCGCACCGCCTTGTCTCTCGGAACTGTCGTTGGAGTTTTAGGGTTCGCGATCCACAC
AGTCCCCCTTCCTTTGATCATCATGGTCTTCAAAACGACATCGATTTGCTCAACCCACCCGCCGAGCTTGAGAA
GAGAAAGCACAAGCTCAAGCGTCTCGTACAATCGCCAACTCATTCTTCATGGACGTGAAATGCCAGGGTTGC
TTTAACATAACCACTGTATTCAGTCATTCACAAACAGCTGTGGTATGTGGGAATTGCCAGACGGTCTTGTGCCA
GCCAACTGGAGGGCGAGCTAAGCTAACAGAAGGGTGCTCCTTTAGAAGAAAGGGCGATTAATTCTTGCCTC
AGAATTGGTTTGTAGTAGGATAAGGATGGGTGGGTTGAATTTTGATATTGCAATTGAGCATATTTGTCTTTC
TCTCGGGTTTTCTTATACATTTTGATGTTGATTATTCAATTTGCTTGAGAAAGGAAGAGCATTTTGTGTGCA
CCCTGTTCCAGTACAATGCAACTAAGTTAATTTTGAAGTAATTTACATCGAACTATTTGATTTGCTTACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCACCTCGACCTCAAAAACCTTATCAAAACCCCAACCCCA

>trans_s_4561 AF139835|*Populus tremula* x *Populus tremuloides* F-box containing protein TIR1
(TIR1) mRNA, complete cds

AGACTGTGTATTATGGGACGACACCAGCCAGACCATAAAACCGGAGATCCAATGGATGAAGGATTTGGTGCC
ATTGTTATTAAGTGAAGAAGCTAACTAGGCTTGCAATATCTGGATTGTTGACGGATCGTGCTTTCAGCTATAT
TGGGAAGTATGGGAACTGGTACGCACCCTGTCAGTTGCTTTGCTGGAAACAGTGATTTGGGGTTGAAGTA
CGTGCTTGAGGGCTGTCATAGATTGCAAAACTTGAGATAAGAGATAGCCATTTGGTGATGGAGCCTTGCG
GTCTGGTTTACATCATTACTACAATATGAGATTTCTCTGGATGTCGGCTTGTAATGACTCGCCAAGGCTGCC
AAGAGGTTGCTAGAGCGATGCCTCACTTAGTGTTGAGGTGATGAAGAGTGACGAGGAAATTGAAAACGAT
AGTCAGGTGGAGGGTATGGAGGACCATGTTCAAGTGCTATATATGTATAGATCTCTTGAGGGGCCAAGGAAT
GATACTCCAAAGTCTGTTGACATCCTATAGAATATTGGACTGCTAGAAGATTGCACTGTCACTGAGCAAGGTC
ACAATTTTGTGCCATAAGTTTATTACTTCTTATCGAAGGCTTATTCTTCAATACCCAAACAAATCATGCTTACCC
GCTGAAGA

>trans_s_4562 NM_100240|*Arabidopsis thaliana* photosystem II family protein (AT1G03600)
mRNA, complete cds

CCCCTTCTCCCCTTCCAAAACCTCCAATTTCCCCAAAATCATGGCCTCCCCAACACTCATAACCCCTGTACTTCCA
AATCTCAGAGCCCCTTCATACCTCTCAAACCCAAATCCACCATTTCCGCCGCCGTAACAACCCCCACCGTCCGCC
GCCGCGATTTCTTTCTTTGTCCGCATCTGTTCTAGCACCGTCGTTTGTCTGTTCCCTCAATCTCCGGCACTGGC
GGCTTCGGACGACGAGTACGTGAAGGATACCAATGAGGTGATTGGTAAGGTGAGAACGACGATCACAATGG
ACCGAAATGACCCGAATGTGGCAGCAGCGGTGGCGGATCTTCGAGAAAGTTCCAATTCTTGGGTGGCTAAAT
ATAGGAAGGAGAAAGCTCTATTGGGAAGAGCTTCGTTTAGGGATATGTATTCCGGCATTGAATGCTGTGTCGG
GGCATTATATTAGCTTTGGACCGACCCGCGGGATACCGACAAAGAGGAAGGCAAGGATTTTGAAGAGATG
GACACTGCGGAGAAAGCTCTGTAAAGAGGGAGATGAAAAATTTATGTGAGGCTTTTTCATTCTTTTCTCTTTG
TAATTTTATTTATTTTGCATTGCAGTTAACGTTTAAGGGTTATGTAAGTATAGAATTTGGGGAATCACAATT

>trans_s_4563 AJ428413|*Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

ATAAGTAAAATAACGTTAAAAGTAGTGGTATTTCACTTTTTGCCCTTGTTGATTGAGAATCGTATCCGTGGCTA
CTGCAGTTTTACCGGTCTGCCTGTCCCCAATAATTAATTCTCGCTGACCACGTCCGATAGGAATCATTGAATCA
ATAGCAATAAGTCTGTGTTGAAGAGGCTCGTATACGGAACGTCTCGAAATAATACCAGGAGCGGGGGATTCA
ATTAACCGAGAGTCAGAAGATGAAATTTGCGGGATTAACGACATAGGTTTAGCCAGGGCATTATAACACGA
CCTAATAAGCCTCGCTTACTGGTATCTGAGCAATTCTCCCGTTGCTTTACAGAACTCCCTCCTGTATGTCA
CCCACATCACCCATTAATACAACACCAACATTATTTGATTCTAAATTTAGAGCTATGCCTATAGTACCCTCTTCA
AATTCTACTAATTCACCTGCCATTACTTCATCAAGACCATAAATACGAGCAATGCCGTGCGCAGCAGTGAAGTAC
AGTACCGGTATTTACAATTTTTACTTCTCTATTATATTGCTCAATACGTTACGAATAATATTACTAATTTTCTCT
GCTTGAATGGTTACCATGAGTATTCGTAATTATTACTGGGACACTGAGAGGCATCAAGTATGAATGACA

>trans_s_4564 AY070472|Arabidopsis thaliana AT3g11830/F26K24_12 mRNA, complete cds

AGTCGATATTTGAGGCAACATGCACGCACAATAGCTGGCAAGTCTCAACTTTTTATCAACTCATATGCCAAAGC
TCTTGAGGTTATCCCCAGACAACTGTGTGACAATGCTGGGTTTCGATGCTACTGATGTGCTCAACAAATTGCCA
CAAAAGCATGCTCATCCTTCAGGTGAGGGTGACCGTTTGGGGTGGACATCAAACTGGTGGAGTTGCCGAT
TCATTTGCAAACTTTGTATGGGAACCTGCTGTTGTGAAGATAAATGCTATTAATGCTGCTACAGAGGCAGCTTG
TCTCATACTAAGTGTGACGAACTGTGAAGAATCCCAAGTCCGAGAGTGCACAGGGGGAAGCTGCAGCCAG
TGCCATGGGTGGAAGACGTGGTGGGGCTGCATTCCGTGGGCGTGGACGTGGAATGCGAAGACGATAGGCAA
TTTCATTGTCACGAGAAGCACAGTTTGTTAGTTCAATTTTTTTTTTTTTATATTTTGCCTGCGTGTGCTTTTC
AAATTGTAGTAGAATCAGATTTTAATCTTATTTGGCCAATAGACAAAACCTTGAGTTATACATCCGTTGGGAAT
TAATTTGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4565 FJ090496|Pinus taeda isolate 5433 anonymous locus 2_1728_01 genomic sequence

AGAGAGAGAACTTCAATATTACTTATAAATACACATTACCCTCATCTAAAACCAACATAAAAAGCACATCCCA
AAAGCCTGTTTTCTTTTCTTTTCCGAATTTAGTCTCTTTGAAGTTTGAGTAATGGAGGATTTAGATCCAA
ATCTTGAGGGAACAGAGAATGCAGATTGAAACCTACAATGAGAACAGGATTGCTCCAACAAATATGCAAGA
TCTAAGGTCTTACAGTGTGAGCTATGGAAGTTCCTTCAGCAGAATCAATCAAAACAGAGAGGTAAAGATGAA
GAAAGGCAAAAGCAATTTTGGGTCAACTTCTAAAAGCTGGAGTTTAAAGGATCCAGAATTGCAAAGAAAGAC
GAGGGTCGCTGGATATAAGGTTTATGCAGTGGAAGGGAAGATGAAAGGGTCTTTGAGAAAGAGTTTTAGAT
GGATCAAGAACACTTACACTCAAGTAGTGTATGGATGGAGGTGATGATTATAATAGAAATTTGTTGTGTAAG
TTTCTGTTTTGAATCTTGAATTCCTGAGTATTGTAACCTATATGAATCTTGATCTTCTCGTTCTTCAAGTTGGTG
AGAAGAAAGAAAAAGAAATGAAAGTTTGAGTTTGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_4566 X80487|S.oleracea spiol E24 mRNA

TTTTGGAAGAAAAGAAATCGTTGTATTATCCGCCGCTTCATCCACAAAGACGATGACTGCTACCAGTATTCGTA
GTTGATCGATCGCACTTCTTCTTCTTTTTCAGATTACAACAGAAATGGAAGACAACCCAAAATTTGTTGCCAT
GAAAGAAGACGAGAACAAACCCAAAATCCCCCTTCCCTGGTTCTCTTTCTTCCCAAGTTGCACTCCGATTGCC
TTTCCCGGTCAACGGCGGCAAGAACTGCCGCTGTGGTGGTTGATGAACTCGAAAGGCTGACAATGATGC
TCAGAAGCCGGAGTTTGTGAGGTTTCTAAAGCAGAGTTACCCGTCGCTTCGGTGGAGGCTGAAGCCGATGT
TTCCGGGAAGACTTCCAATCCAGCGTCTGCTGGCAGGTATATGCCCTGGGTGGGTTTCTAATATTGAGTTGG
GCATGGGCAAGATGGAAGGAGAGAAGGCCCAAAGACGTTCAAATGATGATGATGAGGACGAGGACTCCG
GTGATACATAGTTATGTGTTTGCCTTTGAACTGCCCCAATAAATGTTGAAGTTAAATTTCTAATGCTAGAACC

AATCTTGAGTTTATACCGTTTATTTGTAATTTCAAGTTCAATCCGTCATTTCTAAAAA
A

>trans_s_4567 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

GGTGAGTGATTCAATGTAAGAAAAAATTTAGTGGATTCCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAA
TTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTTCTGGGT
CGTCTCAACCCTTGCGATGGGGCTTTAGCCCCAAAAATATTGATACTTTTTACATCCAAAGGATTTACTTGTTA
CTAATAGAGTCTAGCCTATGTTCTTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCGAGTCAATGCA
GAGGAAATGAATGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTGAAATAGATAAAACATAATCTGTATTATGGCATATATA
TCACCTATTCTAATGGATCTTACGGAGCCTGGTCATGCACGACATGGTCAAGTCTGATCATGGAAAAGATTCTC
TTCAAGCGAACCAGCCTACCCTCTGTATGGAGCTTTCGCGGTGGTTGGAATAAAGACACATTTTGTGTGAATC
CCAATGTGGCAGATAAAAAGACATATATCTACACGGTCCAATCAATAGTTGGGGGGTGTTACTCCCATAATCC
GCTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTAAGCCCCTTCT

>trans_s_4568 X96727|N.tabacum mRNA for NAD-dependent isocitrate dehydrogenase

AGTGATCTCTGTGCTGGTCTGATTGGAGGATTAGGATTAACACCAAGCTGTAATATTGGTGAGGGAGGTATT
GCTCTTGCTGAGGCTGTGCATGGTTCAGCACCGGATATTGCTGGAAAGAACATGGCAAATCCAACTGCTTTGC
TTTTGAGCGCTGTCACAATGCTTCGGCATTAGAGCTTCAGGACAAAGCAGATCGAATCCAAGATGCCATCCT
CAACACCATTGCAGAAGGGAAGTATCGAACAGCCGATCTTGGTGGTTCATCATCACTACTGAGTTCACCGAT
GCAATCTGTGACCATCTTTGAGGAATGGTGTACATTGTTTACATTACATTGCGGTATTGTCTCTGAGGAACCTT
TCTGGAGGCTTTCCTTGATATCTTTTCATAGTTTCTCTGAAGAGTAATAAGTTCAGATCATATTGATGACTCTGA
AGTAGCTTTATCCCAAGGGTGCTACTATTTTTTAACCATTGATCCTTTGCTAGCCATACCAAAGGAAAATAAA
ATGGCCCTGTTTCATGTAATCAGCCGTGCAATGTCAGATGATTGAGATCTGTTAAATTTTATTTCTACGAAAACA
TGGCTTTTTCTTTTTCTTTTCTTCTTCTTCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGT

>trans_s_4569 NM_105135|Arabidopsis thaliana copper ion binding / methyltransferase (AT1G64600) mRNA, complete cds

ATGAGATTTGAGACACTAAAGGAACAGCGTGCCAAAAGAAATCCAGAAGATCTAGAGATTGATTATGGGGAT
CTAGTAAAGATGGAAAATCAACTTCAAGTTGTTCCATACCAAGAAGCGGATCCAGTTTCATATGATTCTGATGT
CATGGAAACTGAAGTTCTTGACGTTGATGAAGAAGAAGAGGGAGAGGAACAAGGAGAACCAGCGCTTGCTG
ATCTCAGTGGTGGTTGGGGCAGAATTGTATTTCCACCAAGACGAAGGGGTAGGCACATAACAATGAATATTT
GTCGATCGACAAAACGAGATGCCTCGGAGGGCTCATTTGAGCAAGTTGTTGTAACACAAAGTCAGAATCCTAC
TTTACACCATCAAGCTCGAAGGTCAATTTGGGGTGATTTATGGCCTTATTGAATTCTATTTTCATGTTTCAAGCA
TGGCCATCCATACATGAATTATTCAACCTCTTAAAAATCTGTATAGAAGCCTAGTGAGTTACATTGATTTTGAG
AGTGAAATCATCGGCATCAATAGTATTTTTCTTTGAGTTCAACATGGATTCAAATATCTAATCTCTTATTGATGA
CACGTTGTTGGTATTTGATATTTATAGTTCATTTATATTTGACATTCAAAAA
A

>trans_s_4570 NM_180725|Arabidopsis thaliana HD2B (HISTONE DEACETYLASE 2B); histone deacetylase (HD2B) mRNA, complete cds

TACCTAGTGAGCAAGAATCAGCTAAAGATTATCATGGAAAGTTATATCATAGTTTGATATCCACCAGTCGAGG
TGTTGGCGATACTCCGATACCGACACAAACAGCTGTAGGTGATCATCCACGCAGTGTTGCAGTGGAAGAGAC
CCGAAAACCTGTTTCGTGCAGCAGATATCAATGCTGAACAGTACAAAGAAAGCTAAATCGCGACGACAACGGC

TTTCTTTCCATCCCCATCCTGCCCTCGCCACCCTCGTGCCTTCTGTTTGCAGCAACAGGTAATTAGCCAAACTC
AAGGGTAAAGAGATTTATAATAGAAGGTATTGTTGTTAAGTCCAGTTTTTCATGAGCATTGTCGTTATTTATCTT
TTTAGCAAATACAAAAACAGTCAATTGCTTGCTTAAGGGGATGGGGTTCGCTAATATTTGTTTGATGCATAAA
AGAAGTTGGTTGCCTTCAAAGCGCTATAAAAATTTCCATATTATCTTATGTGAAGAGTAGTGAAAATTAGGTT
ATACTTTTTTTTTTTGCCCCTAATAAATAAGATGTAATGTCATGTCATGGATAGACTCTTTCTTTTAAGGGTATT
TTGGTCATTTCAATTTGAGATTAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4571 BT025020|Arabidopsis thaliana At4g28290 mRNA, complete cds

AGGTCAATTTTCAGCGGCGCGCTCTAAATTCTCCTCCCCGATCTTCTTCATCATTCCCCCCTCCCCAAATCGGC
TGAGATCCGACGACCTTCGTCGGATTTGCCATCACCATGAAAGGCTCCTGCACTTTGCTCGCCTCCGTCCTTG
CTGCCTCTACCATGGCTTTCTCCTCTTCATCCTCCTCCACTGGAGATCGCGACCTTCTCTTTATCCTCCCTCTCAT
CAGGGCTTCGTTCCGGAATCTGGTGCGAACAGAGGTTGCGGCGCGGATTCTTCATCGGAGAAGGAGAAATTT
GCGCCGAGGTTTGATGGATTGAGATTCATTGAGACTTTGGTAACTGCTCATAGATAATAATAAAATCCTTAAAT
GATGCATGTCCTCGCTCTTTCTCTAATCCATATACCGATCGTATTCTGTTTCATATGATTATTAGGAAGAGAA
ATTTTTGTTTTTACAATTTGTGAAGTGATTTTACTGACTTTGAAAATTATGAAGGAAAGAAAAAAGAAAAAA
GAAGAATCAAGAGATTTGTGCGAGTTCCTCTTGTTGTAAACGGAGTTTCATTGGTGTAAGAATTGAAAAATTC
ATGAATGAATTGAACGGGTCTGTCTGTGTGGTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4572 NM_118265|Arabidopsis thaliana vesicle-associated membrane family protein /
VAMP family protein (AT4G21450) mRNA, complete cds

AAGCATGTAGATCATAAGAGAAGGGTTAAGTTCAAGATTGTGAGCTTGAAAGTGAAGAGCGACATGGATTAC
GTGCCTGAACTGTTTGACGAGCAAAAAGATCGTGTAGCAGTTGAGCAAATACTGCAAGCTGTTTTTCTTGACC
CGGACCATTCTAATCCTGCACTGGAGAAAGTCTGTGACAAGTACCGAGGCTGAGGCTGCAGCTGAGATGC
GCCACAAGCCTGCTGAAGAAACAGACCCGAAAATTGTTGGTGGAGGACTGGTCCTCGATGAATGGAAAGAAA
GGAGGGAAAGATATCTAGCTAAGCAACAGGTTGGAGGTGTAGATTTGGTGTAATAATCAGTGGCTTGTGTTA
GGGAAGTTGAAATCACATTGATGTGTGAACTTTTCTATTTGTGCAAGGATTGCTCATCGACATTAGCAACAAA
AGGCGAATCGCTTAACAAGTGGTTGTGATGGAGTTTCATGATCTTGTGTTAGTAGTTTGATTGGGTTGCTAT
TTCTCAAAGTGAAGGATTTTCTAGTTGGTTTGAACACTATCACCATTGATGTAAATAGTGGCTGTGCTGTTG
CTTCTTTTAAATTAGTTTGAAACAAAATTTGGCAAGTCTCATCCATCTACATTTTAATTTAAAAACGCCTTTTTC
CT

>trans_s_4573 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

CTTTTTAGTGCAGTTTCATCTGCCCTCCAAACCCTCGCGTTTTTTTTTAATTTGTTACCGTCTCTTTCTCCGTCGC
TCTCTGCGTCACGCGCCGCCCCGTTTTCCGGCGGCTACTCATTTCTCCTTCGGATCCTTCCGATTATCTATCCTA
TCCGCTTTTCATTATCATTCTCTCATCCTGAAAAATCAAAACCAATTATTCCTTTCTTTTAGTAGTAGGAAGATT
TTTCTTCGGGGTTGTTTATTTTGTCTCAATTTCTATTATCTTTAAAGGGTTTTGTTATCTCCCCCGGTTGTTT
GTTGCGTTTTGCTGGCCTTTTTTGAGTGTCTGAAGATTCGCCGTTTCATTTCCTTCTTAGGGTTTGTCTGA
ATAACAAAATTAGGAGAGGGAAAGTGAGGAGAAAAGAAAAAATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAGATTTTTTTGAACAGAGTGAAATTATTACCAGTATGGCGGCTCAGGTGCAAGCTCAGCCTCAGAA
TGCTATTTCCGGCATCAATCCAGCGGCGAATGGCGGGGCCAATTTTGTCACTACTTCTTTGTACGTCGGAGATC
TGGACCTGAATGTCACGGATTGCGAGCTTTATGACATTTTCATCAAGTGGGGCAGGTAGTT

>trans_s_4574 NM_101683|Arabidopsis thaliana ATL1 (ATLP-1) mRNA, complete cds

ACTCTGTGGGACTCTCTTGAAAAACATCGGTCATGATGAGAGTTTCTCTGAGGTCTCTTGAGCTCTCACGCTC
TACACTCTCTTCGCTTCCCACATTTAGTTTTGGTCTCTGCCACTACAATAACACTCTACAACAAATGCTCTCATC
CAGTTTGGCCTGGCATTACAGCCTAGCGCTGGTAAGCCCTTGTTGGCTCGTGGAGGCTCCAAGCTCCCACCCAA
CAAGGCTTACACTCTTCAACTTCCAGCCCTTTGGTCTGGTCGTTTCTGGGGCCGCCATGGCTGTGCTTTTGATG
CATCTGGAAGAGGAAAGTGTGCTACAGGAGATTGTGGAGGTGCCCTCTTTGCAATGGCATTGGAGGTAATC
CACCAGCCACTCTTGCTGAGATAACACTTGGAATGACCAAGATTTCTATGATGTGAGCCTTGTTGATGGCTAC
AATTTGGCTATTTCCATTACCCCATCTAAAGGCTCAGGGAAATGTAGTTATGCTGGCTGTGTGAGTGACCTTAA
CATGATGTGTCTGTGGGCTTACAAGTTAGATCTCACGATAATAGAAGAGTTGTGGCTTGAAAAGTGCTTGC
TTTGCAATTCAATTCTCCAAGGTATTGCTGCACTGGTAGATTTGGGAATCCACAATCTTGCAAGCCAATG

>trans_s_4575 NM_001055457|Oryza sativa Japonica Group Os03g0140700 (Os03g0140700)
mRNA, complete cds

TGCAGCTCTTGTTGCTCCAAATAACAGCGATATTCTTGCAAGCAGAGCTAAATTCCTGTGGGAACTGAATGAG
GAGGATGAAACTATGATACCAGGTGAAGAAGACAGCAACAAGGTTAATAGTTTCATCCCTGAAGAAAGAATT
GAACCGGCATCTGACACTGGTGAGAGTGATATGCAGGAGTATTATGAGAAGATGCTCAAGGAGAACCCACC
GATCCATTGCTTCTGAAAACTACGCACGGTTCTTGAAACAGTCCAAAGTAGACCTCCAAGGAGCAGAGGAAT
ACTACTACCGTGGCATCCAAGCAGACCCAAGCGATGGGGAGTTGCTATCAGAATATGCAAACTGGTGTGGG
AGCTTCATCATGACTACAATAAAGCATTAAATAACTTCGAGAGAGCAGTTGAAGCCTCTCCTACAAACAGCTAT
GTTCTTGGAGCTTATGCAAGCTTTCTTTGGGAGACGGACGAATACGAGGAAGATGGGGCAAGCAAAAATGAC
TCTCAATGGCCTTCAAACACAGTGACAGTTTCTGTAGGAAATGCTTGAATTTTAATAAACCCAACATAGCCAAT
GATATAATGTATAAAGTGATGCACTTGAAGCAATAATATTGTTCTAGTTTTACCGTACGAAACATAAATAACCT
GAAT

>trans_s_4576 XM_002308374|Populus trichocarpa stress-induced hydrophobic peptide, mRNA

AAAAGAGAAAAAGGGAAAAGACTTAAATTGTTATGATCAATCCATATAACAAACGAACTCTCTTTCACAC
ATCAAACTACTTCTTTCACTTCCACAAAACCTCTCTCTCTCGGATCAAAAATGGTGAACGGTTGTGAGATCTGC
TGCGAGATTCTCATCGCCATCCTCATTCTCTCTAGGAGTTTGCTCAAATTCGGCTGTTGTACGGTGGAGTTT
TGTCTGTGTTTGATTCTGACTCTTCTCGGTTACGTTCCGGGGATCATTTACGCAGTCTACGCCATTGCGTTCGTG
GATCGTGACCAGTTCTTTGATGAGTACAGGCGTCCGCTCTATTCTGTCGGCGTCGGCGGATTAAACAAGTTTCG
AATAATTTCTTGATCTATGTGTTTTTCACTTATGGATCAATAATTTGTTGGTTCCTATGTAGTTTTTGTGTTTGA
TATTGAATTGGGTTTCATCTTCTTCTAGATATTTGTATGGCTCTGTCTTCTTGATTGGATTGGATTTTAACACA
ATATGAATTAAGTGGGCCATTTGATTATCGTTACTTTGTTATTGTAACATGATATCCATGTCTATACTTTCA
AATCTCACTAAGCTATGTAAGATATTCAATTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4577 AY109389|Zea mays CL12741_2 mRNA sequence

GACAAAAAAGTAATGAAATGCTACATTAAACATCTATTATACAAAAATATTCTGTGCATTCAAGTGCACGACC
GCACCTTACTGAAAATATCTTGGCTTCCTTGGCTGTGTCAAAGTTAATTAGTTCAATTTGCCGACACCTGACGA
GATGAAGGAGAGGGGAATACTACAGTTTTATACCGATGAGGAAGCTTACTTTTATATCATAAAGCAAAAAC
TAGTCTCTATACTCTAAAATAACTATCGACCATGAACAAGCACACTGGATTAATCAGGAGTAAGACATAATCCT
AGCAATTCGTTACATCTATTATGAGTTTGGTACTTCTCTAGAAAAATAAATTAAGCTTTTAAATTAATAAAAA
CATTGGTAAGAAATTTGAAATAGTTGATCAAGTTCCCTTCTATATTGTCCGGCCTGCTCCTTTGGTGGCCTCAGCT
GTCTAGCCAGATCCGACGATGATGTTATTGATGGGGATAAAGATGAGCTTGACGAAAAAACCAACGAATCCC
ATGACGACGAAGCCAATCGCTGTACGAACCGCGACCTTTGTGAACTCTTGCGATCGGGTTTGTGACAGCGCT
TGACGAGACGTACGCTATCCTTAGCGAACTCCCGAGTGGATCGAAGACGGAATCAATGGCGTCCATT

>trans_s_4578 BT004646|Arabidopsis thaliana At5g50335 gene, complete cds

ACAACACAAATCAAGTTTGC GACTTTCCATCATTTCTTAAAAAAACATCTTTCTTTGTTTAGCTTTGTAATTAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAGAAAAAATGGTGTCTAAAGTGGAAGAACTGAGGAGGAAGTA
CCAGCAAGTTCAGCCTCCGCAGACGGCGGTGT CAGCGGTGGCAGCGGCGACGACGCGCGACGACGAAGC
AAATCCAATGCAATAAAACCAAATATCCGAAATTCAAGAGAAGTAGCTCCAATGTTGAAGAAGATGGCGCCTC
TTCCGCCATGCTTTTGCTTGCTTGCAATTGCTTTTGCCTCCTGATTTTAGAGACGGAGCCGCCATCCGCGATATGG
AGGAGGGATTAGCTGTTGTTCTCTCGACGCCGGTCGT CGAAGGCCACTTCCGGTAGCTAATTATGAGTACAGA
ATATTAATGGTCGCCTTAGTTTTTCTCTGATTTAGGAGTGATTTATTAGATTGCTAAGATATATATTCTTTGTTTT
TATTTTGCCCCTAATTAGTTTTTCTTTTCGCGTTATTAATTATGTACCTTTTTGAAAATTATTCTCAATATAAAT
ATATTTTCTTTCTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4579 HM627263|Populus suaveolens miR168b microRNA locus genomic sequence

GCACTTCATAGGGTTAATCTACGTCAATTTCTCGCAGCTTACCGTCGCTTGCCGCCGCAGCGGGAAGCTTTACT
GGAAATTTACCCGCGTTGTTCTTTTCGTTACAACACCGGCGGTCTCTAATTCGCTTGGTGCAGGTGCGGAAC
CGCTTCGCTCAGCCTACGGTTTACGTTTTGTCGTTGGCCGGTCTTCTTCATTTTCTTTTTTGTCTTCTCTGCTT
TTGTTTTTGCTTAATTTCTTGCCGCTGTGCGGTGTTATCTTGTTGCGAAAATGTGTGGGCGAATTGGATCCCG
CCTTGCATCAACTGAATCGGAAACCGTGGTGAAGATTGCTTGATTCTTTCCTTCTCCAGATCTCAGGTACAA
TAGACTATGTTTGGGGATACACAAATTAAGAAGCAAACAGATGTCTTGTTAAGTAAACCGGGAACCTGGTG
GATGGATTTTCTTCTTCCCTTCTTTCAGTTCGAATCCTTTTGCGGCAATAAAGTGAAGGAGAGAAAAATAGAA
GTCTATGTGCCACATGTCATTAAATAATATATTTTATGAATTCTTATTCTTAAACCATTTCGTCTATGATGAATG
GAGACAACCATAGGAAAAAAAAAATGCATTTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4580 NM_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)
mRNA, complete cds

GAACTCAAACAAGAAATTTCTTCAAGCCCTACCTCGTGATCGTCCGAGAAATTTAGAATAAAATAAAGAGAAA
AATCCCATGGCTTTGAATTTCTGCTTTCAGCAACGGCGTTAGCGACTACAAGCGATGTCCTGTTCTTTCTCCAG
AGATCAGCTTCGTGATATTTTCTCAAGCACGACGGCGACGGCGACGGCCGTCTTTCACGTCTGGAATTGAAA
TCGGCCTTCGACTCCTTAGGATCTAATTGGAGCCGTTTCAGAGCTCGCCAGTCACTCAAAGCCGCGGATGCCG
ACGGCGATGGTTACGTTACTCTCGATGAACCTGATGGCCTTCTTGATTACGCTGTAAGACGCGAATACGCTATT
ATTTGAAGAATCCTTCGTCTTACTTAATTGTTAGTTTGGTTATATTGTAACTATATATTTGAATTAAGACTATC
GTATTAACAATAAGCGAAGTGTGTATGGGTTCTTCTTCTTATTTCTTCTGGAGGGTCGGAGTTTCAAACGTTT
CTGTTCCCCCGCGAGTTCTCCACTTGTCGTGGTGTGAAGTCTACTTGATTTATATACTAAAAATAAATTCCAA
TAACTGCTCTTCTATTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4581 Novel Gene

AGGCTCAGGTTCTTCGACGCTCAATCGCAGAAGAACTTGAAATCAACCGAAGAAGATTGTGTCTTTCTCTTAC
CCGATTTAAATATGATACCTCAGAAGATTAAGTCAAAATACATCGACTCTCTCTCCCTCTTGCTCTCGT
TCTCTTTCTGTTTTTCGTTCTTGCTAATATGTTGACATGGGCAGGCACAGATTGTAAAGCCATGAGAGCTCCA
ATGGCTTTACAATTTGTAGATGGCAAAAAGCTTGCCGTCTGTAGAAGAACATTCAATTCTGTCTGTTATTAG
CATTTGTTAATTCCTATGTTTCTACAAATTTTTTCTCTCCCTTTTTGAAGGATGTAAGTCTTGTGGGTTAA
CAAATTGTTGAATCCCTCTAGAAGAATGGTGTAGGGTTGATTCATTGTTGTAGCGTTTATTATATAGGTACAT
AGTTACTGAATTTGTTTGTGTCATGACTTTGTTGTTATAAAAATTATTTTCTTTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCGGCCCCCTCGAAAATTTATAAACCCCGCAACCCCGG

>trans_s_4582 AY104822|Zea mays PCO131452 mRNA sequence

TCCTGAAAGGATTCGGTGATAGTTGATATTCAATTCGAAGCTTAATTGCTCGAAGACAAATTTTTCTTTGTG
TGTTTTCTTCGAGGAGAATAATATCAAGGTCGCTGAGTATGGCGAGAGACAGCTGTTTGGCTCGAGTTACTGC
CGGAGTTGCCGTTGGTGGCGCCGTAGGAGGAGCCGTCGGTGCTGTTTATGGGACTTATGAGGCCATTAGATT
TAAGGTCCCAGGACTATTGAAAATTAGGTATATTGGACAAACAACACTTGGAAGTGCTGCCATATTTGGCCTT
TTCTTAGGGGCGAGGAGTTTGATACATTGTGGAAAGTCATATAAATCACAAGGTTTTGTAATTGGATCAGAT
AATATTGTTTCTTTTTTTTTTAAATCTTCTTTAGATTCTTGCTTTCAACATGAAGTTTGAGTTAGTGCAGTTG
GTCATTTGTTTATTTAAAGGCTTCCATTTGTGGTTGTTGGTTAAAGAACAAGTGGTCAATTGATGGTGATAT
GGTTTACCCTATTTAGATGTCATGAAATATTGATTCTCGTTTCAAGATTTTAATTTTAGGGATATATCGAGTTA
TCTTTTAAATTAAAAGATTCATCAAGTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4583 NM_124264|Arabidopsis thaliana SAD1 (SUPERSENSITIVE TO ABA AND DROUGHT
1); RNA binding (SAD1) mRNA, complete cds

AGGATACTACTTGTATTTGAATCTAAGTGTATCTTATTAAGAAGAAGAACGATGAACTCAACAAACCCTAATA
AATTATTGTTTGTGTTAGTTTCTTCTTTGCCGTTTCCATATCAACCGCCATGGCTGATTCTGTTGAAGCTTCTTC
AACTCATTCCATAGCTTCATCCATGCCCTCTTCAACCCCGCAGTTCACATTGTTTACACCGAACTCCTCCGGA
TGAGAACCCCAAGGACTTCCATATCCGAACCCTGGCTTCTGCTCTCGGAAGTGAAGAGGCTGCCAAGGATGC
GCTTGTTTACAGTCACAAGACGGCTGTCGGTGGATTCTCTGCAAAGCTCACTCCCGACCAGGTTTCTCGAGTTT
CCCAACAACCAGGGGTTCTACAGGTCATTCCAGACAGCCAGGTTGGGTTGCACCGTTAAAGGATTTGCTCCG
TCGCCTTCAAGTCAGGTGTAAGATTGCGGACTAACGAGTGAGTCTCACCTTCTGTAAGCTCAGTTATAGTTCTT
ATATTTAAGCACTTTTATTTGTTGTTGTACAAAACCTTATATGTTATTAGCATGTTGATCCCTACACTTGCTCA
GTAAAAAGTTATGTAGATTTTACATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4584 NM_001067277|Oryza sativa Japonica Group Os07g0694800 (Os07g0694800)
mRNA, complete cds

CACTGACATCAACCGTGAAATGGAAGCAACTGGGAAGTTCAAATGAAGAGAAAGAACTTTTCCAGTTGGT
GGGGAAGGCGAATTCAAATCTTGCTGATGTTATTCTGAAGCTTGGACTTTTGGAGAGATCTGACATTGCGTGG
AAGGATGCAAAATATGCTCAAATATGGGAATATCTCAGAGACGAGTTTGAGTTAACACAAAGATTTGCAAGTC
TGGATTTCAAATTGAAGTTTGTGGAGCATAATTCGATTCTACAAAAGATTCTTCAAACAGGAAATCAGAT
TTTTTGAATGGCTGATCATTGCATTAATCGGTGCAGAAATTTACTCTCACTTTATGACATTATTCATAGATCA
GCAGCTAATCTTTAGCACTGTTTGCTTTCTGATCCTTGAGTTGGAAGTGGGAAATTTGGCTCCTTGATCGG
GGTACGTATATCGCCACTGCAATTTATACAATGTACATAGCTATGTAAATTTGGAACATTCTGCTATACGACTC
CGATAATTTGCGATAGCTCTCTAAGGGTGCAGAATGGTTGGTTATAGTTAAAAGAGTATTTTAAACAGTTCTAC
AATCTTTGTTGAAGTAATGAATCTCAGCCTTGCTTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4585 NM_001062470|Oryza sativa Japonica Group Os05g0496000 (Os05g0496000)
mRNA, complete cds

ACCTTAGCCATGGGACCTCACCCGACCTCTTCACTTCCAGGTCCCTCCCTCCAACGCTCATTTTACCTCCATTCT
TCTGTTTTCCATTGCTTTTATTGACAATCATGCATGAGAGAGATGATTCTTCTGTGATGGTTGAGAAAGATGT
TACGGAATCAGTTTCAAGCTTACCGAAAGATTTGCAAATAACAGAGGTAGGGAGAATGTTGTGAAGGCTGA
ACCTACGCGACAGATTGATATGGCTGGGGAAATTAATATGGAGGCTTCATGTGCGCTGATGATGTTTACGG

GCTGGAGGGTTTGGTGCAGGGGATGAAATTGGTAGTTTTCTTCTGTTGCAAGCGATTCTACTGACTTTGAGG
CTACGATTCTCAATGCTCGAGACTATGAAGGGCCACAGGGGGAAATTTCTAGACCAGGTCTTGGGTGGAAAG
AAGCTACAAAACTGAGTAGTTCTGCTTTGAGCATTGTGTTTTGTTCAACTTCAGTCATTTGTAAGTATGGTTT
GTTTACTAGGTCTGTACAGGATTGTGTTTTGAATAAATATAGATCATGATCCATTGGGATCCNAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4586 AY065052|Arabidopsis thaliana AT5g12840/T24H18_10 mRNA sequence

CATTTCCCTTCTCCCCATCACATTTTCCCTTCTCTTCATTTCCACCTTGCTCCAATTCCTCCGAGGGTTGAAGG
TATGCAGTCAAAGTCTGAAACCAATAATCAGCTCGATCCAAATGGTGCACCATCGACGAGTATCTATTATGAA
CCCTGGTGGCGTGGCATGGGGTACAATACTTTCCATTACCTGTGGTTGGGGGAAATGCTTCCAGTTCAACTT
CTCTGAATTCCCTAATGGTGGTTCAGAGTCAAATGATGGCCAATCTGTGTCTAATAATGATGTAAATGATGAA
GAAGATGATGTTTCTAAAGAAGTGAAGCTACTGGATCTCCACATTCTGCGGGAAGCTACAGACAGGATACTC
GGAAGATGCAGCATGTTTCGTCCACTTTGCCAGCTATGCACGGTGAATGTCTGACGCAGTCTACACAACCTCGA
ACTTGTTGGTCACTCTATTGCTTGTGCATCAAATCCTTATCAGGATCCATATTATGGAGGAATGATGGCCTTCT
ATGGTCATCAGCCCTTGGGCTATCCCATGGTTGGAGGACCACATGCTAGAATGCCATTGCCATTGAGATAGC
ACAAGACCCCGTTTTGTGAATGCAAAGCAATACCAGGGAATTTGAGGCGAAGGCAAGCACGTG

>trans_s_4587 NM_123466|Arabidopsis thaliana NRPB12; DNA binding / DNA-directed RNA
polymerase (NRPB12) mRNA, complete cds

ATAGTCAAGCCCTACGCGACTTCGATTTCTTCTCTGCTCTCGCATCGCCCTCGCAGCGGAAGATTTTTGAAGTT
TCACTCATGGATCCTCAACCCGAACCAAGTCAGCTACATCTGTGGAGATTGTGGAATGGAGAACACTCTGAAGC
AGGGTGATGTTATACAGTGCCGGGAGTGTGGTTATTGTATTCTCTACAAGAAGCGCACCCGTCGCATTGTTCA
GTACGAGGCCCGCTGAAATGCTTATTCTTGCGATGGACTTCTAGTATCATGCATATTTTGTAAGTTTCTTTAG
GAAAACAAAAACGATACTCGATATGGACTAAGGACTTGCTGTAGTACAAAACATGTTGATAACGCTGCTTAAA
TATTTTTTATTATCCTCTTGTGCTAACTCCATATCCAACGATAATATGATATGAATGGTTTATCTCTTGATAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTAACCAACCCCCCACCCCGGGGGGGGGCCCCGGG
ACCCAATTCCCCCAAAGGGGGGCAAATACCCCCGCCCCCGGCCGGCCTTTTACAAACGCCGGGCC

>trans_s_4588 NM_101162|Arabidopsis thaliana ATAN11 (ANTHOCYANIN11); nucleotide binding
(ATAN11) mRNA, complete cds

AGGACAAGGAGGGTTAACCAAGTTCCTCGCTGCTCCCAATTCATCAATCGCACCCAATTCAACTGGATTGACTT
CTTCTTCCCTTGCACTTCTTACCTTGCATTCAATTGAAGAATAAGAATAATAAGAAGAAGACGACGACGACGAC
ATTTCCACATAGATTTCCGATGGGTACAAGCAGCGATCCTAATCAAGATGCTTCCGACGAGCAGCAGAAGCGC
TCTGAGATCTACACCTATGAAGCCCCATGGCACATCTACGCTATGAACTGGAGCGTCCGCCGTGACAAGAAGT
ACCGTCTCGCCACTGCTAGCCTCCTCGAGCAGTATCCAATCGTGTGAGATTGTCCAGCTTGATGACTCCAGC
GGCGAGATCCGCTCCGACCCTAATCTCTCCTTCGAACATCCTTACCCTCCTACTAAGACCATCTTCATCCCCGAC
AAGGAGTGCCAACGCCCTGACCTTCTCGCCACTTCCAGCGACTTTCTCCGCGTTTGGCGTATCTCAGATGATCC
TTCTTCTGTTGAACTCAAGAGTCTTCTTAATGGCAACAAGAACAGCGAGTTCTGTGGCCCTCTCACCTCTTTTGA
CTGGAACGATGCTGAACCAAGCGTATTGGGACTTCCAGTATCGATACTACTCGCACTATTTG

>trans_s_4589 NM_101362|Arabidopsis thaliana major latex protein-related / MLP-related
(AT1G14930) mRNA, complete cds

TGTGTTTGGTACCGGGAATCGGCCATTACGGCCGGGGGGGAGAGTTATATCTTTAAAAGAAATCATGTCTTGT
GTTAAAAAATTTTCGAGCCAGTAGAAATGAATATAGATTGCGAGAAATACTATTATTTTCATGAAAAATACTG
TTTATCATATTCTAATATTACTTCAACCATTCAAACGTATCAGTTCATGAAGGTGATTGGGACAAAAGCAGT
CATGAGTCCATAAAAGTATGGAACACAAACATCGATGGCAAAGCTGAGGTTTTGAAAGAACGACCGGAATTC
GACGACGAAAAGCATCTGTTTAGTTTCACTGCGATCGAAGGAGATGTGTTAGAGAAATATAAAAGCTTGAAG
ATCAGTCATCATCCCGTCCAGAAGGGTCCTAAACAATGTGTGGTTTACATATCTATAGAATATGAAAAATATAA
TCCTACCACACCCGATCCATACAATTACCTTCAATTCATTACTAAATTTATTAAGGATGCGGAGGCCTATCTTAT
TCATAATTAGGACAAAATAAATGGTTTAAATTAATTATGTTCTGCTTTTCGGTAACAAAAATAAATCACTCTCCC
ATCCTTCTATAAAATAGATATACATGGNAACTCCATGGTTATGTTTGCCTTCTTTTCTATTTTTC

>trans_s_4590 Novel Gene

CAGAAGGCACGATTTACTTCCAAAGAAGGAATTACATGACAAGTAGGAAACATCACCTTGTTATACTCGAGCA
TGGCTGATTAACAAGGACGAAAACGGAAATCATTCTTTATCCCATCCGACCTGGAGAGTTTGACCCTAGCATT
CACGCGTTAATCTTATACCTCACAAGTCCGAAGTTTAAACAGCAGCACTCTAAGATACCAGTCTGTTTCATCAAA
CAAGCATGAAGAGAAAAGCGGCAAAGGTTGAATGTGTGCGTCAGAGATTAGGTGGTACTAATCTTTTTGTTTG
ATCTGTCAATTTGAAGTTATTCTAACATGAATATTTACATGGCTGTTTACGGAATTTTATTCATATAGCGAGTCT
TGATAGAACAATGTTCACTACAATTCATAATCATGATATGGATCCTTAGCGAACGAGTTTTTGTCGAATAGGTT
TATTTTCAAAGTTATTGGTATAGAAGTTGCGTTCAAATAATCCGACAACCTCGAACTACTCAACCTAAATTATAA
ATGTTGGGTTGGGTTGGGTTAGTTTTCTTTGTGATTGGTTGTTGTTATAATTTTACATATTATTATGAAGTT
TTTTTAAAAATTGTAATAATAAATTCGAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4591 AY103570|Zea mays PCO088401 mRNA sequence

TCAGACTCGTCAACATGGGTATCTCTCGAGATTCTATGCACAAGAGGCGTGCCACTGGAGGAAAGAAGAAGG
CTTGGAGGAAGAAGAGAAAGTATGAGCTTGGAAGGCAACCTGCCAACACTAAGTTATCAAGTGACAAGTCAA
TCAGGAGGATTCGAGTTCGTGGGGGTAATGTGAAGTGGCGAGCTTTTAGACTTGATACGGGAAACTACTCAT
GGGGTAGTGAGGCTGTGTCTAGGAAAACCCGTATTCTAGATGTGGTGTACAATGCATCGAACAATGAACTTG
TTCGCACTCAAACCTTAGTGAAGAGTGCCATTGTTGAGGTTGATGCCGCACCATTCAAGCAATGGTATCTTCAG
CACTACGGAGTGGATATTGGAAGGAAGAAGAAGACTGCAGCATCTACTAAGAAGGACGAGGAAGGTGATGC
TGCTGCTGCTGAGGAGGTGAAGAAGAGTAACCACGTTTCAGCGTAACTGGAGAAACGGCAAGAGGGTTCGTA
AGCTCGACCCACATATTGAAGAGCAATTCAGCAGTGGTCGTTTGATGGCTTGATTTTCATCAAGACCCGGTCA
ATGTGGTCGTGCTGATGGATATATCTTGGAGGGCAAAGAAGCTGAGTTCTACATGAAGAAGCTCCAGAGAAA
GAAGG

>trans_s_4592 AF077955|Arabidopsis thaliana branched-chain alpha keto-acid dehydrogenase E1
alpha subunit mRNA, partial cds

AATTTCTATTTCTCCTCTTTCTTTTTCTTTTTCTCTATGATTATTAATTTCTAAATTATCATTTACTTTTTACTTC
CAATTTTCACATCACTATGATTCGCTTTGTCCGATCTTCATCTCCGAATCTCATCCACCGAATTCTCAACCGAAAC
TTTCACTGTTCCGATTCTTCAATGGCGGTCCGGTGCGGGCGTCGCCGGAAGGATTACTCTCCGGATTTCTTTG
GCCGACATGTCGTTTTGAATCCACCGAAGCTGCGCGACATGTGGATCAACTTTATGTTCTTAACCATGACGATC
AGGAGTTGGATTTCCGGGAGGAAGCGTTCCATTTAGAAATGAAATGAGATTCAATTCGGAGTCCACTGAAAA
GCGAGTTCCATGTTATCGTGTGCTTCATGAACTGGGGACATCATTACACCAAACAATTTCAACCAGTTGACCA
AAGATGTAGCGATTAAGATGTACAAAGATATGATTACTCTTCAAATAATGGACAACATATTCTACGAAGCACA
AAGGCAAGGAAGAATCTCATTTTACTTAACTTCGTCTGGAGAAGAAGCCATCGCCGTTGCTTCTGCAGCCGCA
CTTCTTCCCGACGACGTTGTTTTGGCTCAGTACAGGGAGCCTGGTGTGTTATTATGGC

>trans_s_4593 AJ298828|Fagus sylvatica partial mRNA for protein phosphatase (pp1-1 gene)

ATATTGGTTATTGGGAGGGGATTGGTCGTGGTCCCAAAGTTGATCCATCCTTTGCCACCTCCCCTCCAGTCACC
CGAAACATCTCCGGAACGCACGGTTGAAGACACTTGGATGCAGGAACCTAACATTTCAGAGACCTCCAACCTCCA
ACCCGCGGCCGCCACAGCCTGATCTAGACCGTAGCTCTCTTGCTTATATATGATTTTATCTGTTTGCCTCGCTA
ATAACGTTTCAGATTCAGTGTGATTCTCCAGTATCCTCAGCGATCAACATCTTCTGCATTTGATGACAACAAAAT
AATTGCACCAGGACCTTTTAGTTTATGGAAGATACGACATTGATGTTGCACAAAGCATAAAATAGTGGTTCATT
TTTTCTACATTGGGGCCACATTTATACTATTGTAATATATGTGACATTTAATTTGTGAGTGTATGTTAGGTTGTA
GCCCCACATAGATTTTACAGGTAGTGTGTTAATGTTGTAGGATAAACGTGTAGTTATTTAATTTACCTTAGAA
TGTGTTTTCCAAGTGACCTTATTCTTGTAAGTGATTTTAAATACACTGATGTGATGCATTTTCTACTCCAA
AGTGAGTAATAATACCATTTTACTGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4594 XM_002866274|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl transferase family 1
protein, mRNA

AAACCAAAAAGAAAACACACAAACACCAAAGCTCCATTTCCATTACAATTTCTCTCCTCAAGAACAACCTTTCTT
CAAAATCGCTTCTCCCCATCCATTATCGCCTTTCCGATTCTGCCACCCATTCTCCGACACCTTCTCTTCCCCCA
AAAACAAAAAACCCACTTTCATTTTGTTAATCTCTTCAATTTTCATGGCCGGAATCCCCTCTGAGGGGTTGGGC
GATGATTTTTTTCGAACAGACGCTTGCTGTTCCACCGTCTTACGGCGGCGCTGGTGCGGAGACATGGTTTCTTT
GCCTATGGGACTTCAACTTGGGTCCGGTGGTGGCGGCGCGGTAACGGCGGAGGAATGGGTATGCCGTTAG
GGTTGAATTTAGAACAGGGGTTTTTGAGACAAGAGAGATTTAGAGAAGAGGTTGATTGAGGGCATAATAGTA
ATTCTAATAATAATGCTTCTTCTCTTCAACTGCTTCTTCCGGAATCACTGAGAGAGATTCTTCAATGCAGCATA
TGACAAACTTGTTTCCGACCTTTGGACATTTGCAAACTCAACAACTCCGACCACCGCCGCGGTTGCATCTCCAC
CAGCCCTTTTCACATCAGACAAATACTGGGACGGGTGCTGGTGTACCCAACCACCTCAAGTTC

>trans_s_4595 GQ917183|Glycine max cultivar Kefeng No.1 rubisco activase (RCA11) mRNA,
complete cds

AACAAATCCTGTGATAGTAGTTATTGACGCGAGAGAAAAGGAATTCTTCTTTTCACTTACGGATTTCGTCTTCT
TCCTTCCAATTCGATTATTCAGGTTTCAATTCTGCAGCAATGTCCGGCCAATCCACGGCGGTGCACATCGTTTA
CACTGAGAGGCCTCACAATGAAGAACCCGAGGCCTATCACATCCGAACCCTAGCTTCTGTTCTTGGCAGTCAA
GACGCTGCTAGGGAGGCTCTTGTGTATAGCTATAAAAAATGCTGCTAGTGGCTTCTCTGCTCGGCTTACGTCCG
ATCAGGTTGCGGAGATTGCCAAACAACAGGAGTTTTGCAGGTTGTCAAAGCGGTAATAATAAGCTGCATTG
TGGAGGAGGAGCAGCAAGGCTTCATTAGAAGAACCAACTCTCCCCGGAATATCGGTTTATTGCCTAGATA
AGGTGTGTTTAGTATATATTGGGATCATACTGTATAATACACGCACATGTTACTATAAGATAGTGTTCCTATG
GAGTTTAAAAATAAGTAAATAAAAAAATTACACGTATATCTATTTGCTATAATACGTCTGGTTGTACCTTTTGGC
CATTGACAATGAAGCGAATGTTTTGCCTTTTACTTGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4596 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose bisphosphate
carboxylase/oxygenase, complete cds

GAATGATTAAACCCCCACACTAAAAAAATTCGCGCGGGGTGCTCAGGAGGGTGAAAAAGAAAGAACAACGA
CATCACCACCTTTGGCTAGCAATGGTGGAAGAGTTTCAGTGCATGAAGACACAATTGTTGTCCACTAATTCTTGT
TCGAGACTCTTTCTTACCTTCCTGATATGAGTAACGAGCAATTGGGAAAGGAAGTTGACTACCTTCTCAGGAA
GGGATGGATTCCCTGCATTGAATTCGACATTCACAGTGGATTGTTTTACCGTGAGAACCACAGGTCACCAGGA
TACTACGATGGACGCTACTGGACCATGTGGAAGCTGCCCATACCAACTGCACCGATTCTCAGGTGGTTA
ACGAGATTGAGGAGGCCAAGAAGGAATACCCCGACGCATACATCAGGGTTATTGGCTTTGACAACGTCCGTC

AAGTGCAGTGCATCAGTTTCATCGCCTACAAGCCCCCAAGATTCTACACATCTCCTTAAATTCCATATGCTGCG
GCTTTCTTGAGGCGAATTTCAACCATTTGCCTTTTTTAAAGCTTCATCACTTGGGTGGTTTCAACCAAATTTCCC
TCCTTTAATTTTTTTCTTTACTCTTTTTTCCCGCCCCCTTGCCCCGTAAAAACCAACAGACACAG

>trans_s_4597 NM_102177|Arabidopsis thaliana MAK16 protein-related (AT1G23280) mRNA,
complete cds

AACGCACTTACACACATACACTTCCATTTTTATTTTTATATTTTCACTATTTAATCTCTTTCTTCCTAAACCTAT
TTTCTCCTTCCTACGGTTAAAAACCCCCGCCGCCCGTATCCTTCTTCCCGGACGGCGTCTTAGCTCCTGCTGT
TTCACGCCGCTCTCTCCGCCTTCCGACGAGATACAGTTACTTATCTATTGCCTTCTTCTCAGAAACAGTGTTGA
CCCCCTAAACCCTAGGGTTGAAACAGGGGTAGAATATTCAACTGAGCACAACTTTCTTTCTCCATCATTTCATA
AGTTTCTTAGCAAAAGATGCAGCACGACGAGGTAATATGGCAGGTCATCCGCCACAATCATTGCAGTTTCATG
GCCAAGATTACGACTGGGAAATTCTGTAGAAACCTTATAATGTAAGTGGGATATGTAATCGGAGTTCATGTC
CTTTGGCTAACAGTCGCTATGCTACTATTTCGTGACCATGATGGGGTTTTCTATCTATATATGAAAATAATTGAA
AGAGCTCATAAGCCAAATGAGTTGTGGGAAAGAGTTAAGTTGCCAGAAATTACAAAAGGCACTGGAACCTT
ATAGATAAACATCTGATGTATTGGCCTAAGATACTTGTAACAAGACAAAGCAACGATTG

>trans_s_4598 EU350954|Jacaranda mimosifolia nectar protein 1 mRNA, partial cds

ATGGAAGAAGCTTGTGTTCAAAGGATAAACTCAGCCAATCAAATATTCAATGCTGGCCTGAAATCATTAGTTGA
TCAATTCACAACAATCAAGCTGATGCAAAATTTATCTACATCGATTCTTTTGGCATTTCGAAGATGTCATTGA
CAATCCATCAGCCTTCGGTTTTAGGGTTGTCAATACTGGGTGTTGTGGAGTAGGAAGAAACAATGGCCAAATT
ACATGTCTACCATTTCAAACGCCGTGCTCAAACAGGGATGAGTATCTATTTGGGATGCATTCATCCAACGGA
AGCAGGGAACACGGTCGTAGGTCGGAGAGCTTACAGTGCTCAACGACCAACTGATGCATACCCGGTCGATAT
TCGTCGTCTCGACAACCTCTAACAGTGTTTGAGGGTATTATGTTATGGATTTTATAGTAAGTTAAAGGGTTTA
TATATAAAAATTTATAAACATATATATACACTTCTTTTTTATTAGGATTTTTTTTTTTAATTATTGTTTCATTGAGT
TTGGGTGTTTCTGTCTTTTGGTGTCTGTATTATTGTAATTGCTGTCTACAATTGCTAGTAATTAATAATTGT
TGTCTTTTCTAATGTTTCCATGTAAAGAGCAAATTATCGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4599 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

TAGAAAAAATTTAGTGGATTCCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTACAGATAA
ATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTTCTGGGTGCTCTCAACCTTGCGAT
GGGGCTTTTCGGGGGTTTTTATACTATCTTTTCGTGCTTGGAAGCCCGTCTGTTACTAATAGAGTCTAGCCT
ATGTTCTTCTTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGAATGCATT
TTCATACTATTAAGTAAGTGAAATAGATAAAACATAATCTGTATTATGGCATATATATCACCTATTCTAATGGAT
CTTACGGAGCCTGGTCATGCACGACATGGTCAAGTCTGATCATGGAAAAGATTCTCTTCAAGCGAACCAGCCT
ACCCTCTGTATGGAGCTTTTCGCGGTGGTTGGAATAAAGACACATTTTGTTGTGAATCCCAATGTGGCAGATAA
AAAGACATATATCTACACGGTCCAATCAAGAGTTGGGGGGGTGGCAGAAACGCCGAACGGGGAGACTCGCA
CAAAATGAGGCGTGTATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCATGTCTTTGTTTGTCCCCTC

>trans_s_4600 BT010772|Arabidopsis thaliana At4g33960 mRNA, complete cds

AGAGAAGAAGAAGAAGACGACGACTAACAACATTTCTCGAGAAAGAAAAAGAAAAAAAAAAAAAGAACGACG
CGGAAAATTGAGAGAAGCAGAGAAAATCGTTTCGAAATTTCTCGATCTCAAAGAAACTCGAATTCGAAAGCA
CCGATTTTTCCCGTTCTTCAATCCGGCGGAGATGGGGATTAGAGATTAGAACTTTGTTTGGAGCTTCTGCGAA
TGGCTATCAATTTGCTCGTGGTTCGTTGCCGAATCCGTCGGCGACGTTATCCACCGGAATGTCAACCGCAAGC

TC TGCCGACGGCGGGCGGTAGGGTTCCGGTTCCTTTGTCGGCTTTTACCCCTAAATTCATCCTCCGCTGCCGT
CCGCGGCGGGCGATGTGGCGATGTTCTGTTCAAGTTAGTGTGAATTTGTTTTTTTTTAGTAATATTGTAATTG
ATCTCTTGAAATAATCCAATTATCTTCTTTCTTTAGTACGAAATTATTCTCTCTCTCTCTCTTTTGGATTA
GTACGAAATTATGAAATTGTTATTGGTTGTAATTTGTTGGTTTTATCGTCATTTTGACGCCGGACCTTCTGACC
AACAATAATTCAGGAACTTGGAGTCGCACTTTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4601 AL161580|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 76

ATCAATGGAGATTGTAGCATCTATCGAATTCCCAAACAACACTACGCGAGATGAATCCTAAAGCATACACCCCTCA
ACTCATTTCCATTGGCCCTTTTCATCATTATCGACGTCAAATGATTTTAAAGCTACAGAACAAATATAAGCTTCA
AGCCCTTGTTAACTTTCTGCGTCGTATTAATAATAACAATGAGACCATGGAAGAAGATCAGGACGTAAAAAA
AGTAGATCATTGGATGACCTCTTGAAAATCGGAACGTTGAAGGTTCTGGTGGAAAAGGTTTCATTGTTGGATGA
CAGAACTCGGAATTGCTATTACAGAGCCTATAGATTACATGGACGACCATAACTTTGTTATAATGATGCTTTTG
GATGCTTGTTTCATCGTGGAAGTTTTATACAACAGTATGACGCATCTTATCCTCATGATCGTAAATCCCTCGT
ATCCAAGACAATGTAGATTTTTTATTACTATACCCAGAAACATCCCAAGATATATCCAATGACTTGATAAAATT
GGAAAATCAAGTTCCTTTCTTTCTTCAACATATGTTTCACATGATACCACAACATAGTCCTCTGTGTCCTTT
ATAAATCTTACCTACAGTGCTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4602 NM_115197|Arabidopsis thaliana DNA-binding S1FA family protein (AT3G53370)
mRNA, complete cds

GGTTGGCCAAAATCGCCGAATTATATGAATCTTCATTTTTTTCTTAGAACTCGCTGACATTTTCAACATCGTCA
ACCCTTTGCCGTCGATCTGATCCCTACAATTGCCGGTATTCTGGATCTTCTGCCGGTCGATCTACCCGGCTTTG
AGTCATAGCATGGCTTCAGCCAATGGCAAGGGAATGTGATCAATGATGTTGAAGCAAAGGATTCAATCCA
GACTAATAGTACTTCTTCTGTTGGTGGGTTGCTGTTGACTTTCCTAGTAGGGAATATGCACTTTACTTGTAT
GCACAGAAGAATCTCCCTCCCAAGAAGAAAAAGCCAGTGTCCAAAAGAGATGAAGAGGGAAAGACTGAA
GCAAGGAGTGTCTGCACCTGGAGAGTAAAAAACAGAAAAAGAAAAATGATAAAAAAAAAAAAAATTTAACTTC
CCGAGGTTTCCTTCTCTGTAGAACGTTTTGTTTTCAAAGTTTTTCCTACATAGACTGCCTAGAAAGTTGTTTAA
CAGTTTTATTTATTTATCTGCTGTCTTAGAACTCTTCAGAAATGGAACCTGATTTGTGAGTTTTAAACCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4603 CP001332|Micromonas sp. RCC299 chromosome 14, complete sequence

GGGCAATAATCAATAGCATCTTTACTTTTAGATTCTGCAGCTTCACGCTCCAGCCTCCCTTCTTCAACCATAGTC
AAACATTTTATTTCTAGGAATGAAGGTTCTCAGTGGTACTTTCTCCATCACTCTCATTTACATGCTGCCTCAT
CCTTCCCATAGGATATTCCAATTTCTTCTCGTCATCGGAAATGGCGGAATTAAATGGAGGATTTGTTTCAGCA
ACACTCGCAGTATCTATGTAGAGTGTCTTCCATCAGGAACTTGCCATGTCAACCCCATCTTTATTTGCTTGA
ATGGATGGTGTATCGTGAAAGTCAATATCACCTTTAGATTTGGAGATAGTGTCAACTCTTTAGGAACTACAAA
TGGCTGCCTTCTGCAAGGAGACTGTGATGCTTCATTCCGGAAGGGAGAAGCGGCCCTCGAATGCCTGAAAGG
AGAAGACCTACCTTTCATTTGCAGGTCGGTGGAGGAAGAAAAATGTTTCGATTCACCAGTCCACTTATCTTTCA
CCTCCAACAGCTTATGTGAACCAACAGCAGCTTCTGATTTTTGCTTGTAAGTAGTATCCAAGCATGCTTGTTCT
GTCTTTTGCCGTATGGATGGTGCAGTGTTCTACTTGATTCCCCAACTTTNCTTAGTG

>trans_s_4604 AY057579|Arabidopsis thaliana At3g02090 mRNA sequence

TTGCAAAGCCTGACTGCTTGGATGATTTGGCTTATGCAATAATGTACGAGACAACCAAGTTAGCTTACCGAGT
TTCAGAAGCTGATGTTACCCGTGCGCGCAATCAGTTGAAATCTTCTCTATTGCTTCACATTGATGGAACAAGCC
CAGTAGCTGAAGATATTGGTCGTAGCTGCTTACGTACGGCCGTAGAATCCGTTTGCCGAATTGTTTGCAAG

AATTGATGCTGTTGATGCAAGCACTATAAAACGTGTTGCAAATCGGTTTATTTATGATAGGGATATTGCAATTG
CGGCATTGGGTCCCATCCAGGGTTTACCCGACTACAATTGGTTCAGACGTAGGACATACTGGAACCGTTATTA
GATGATACCCATATCGTTACTATGTTATTCTTGTTACATTGAGCAGCAGTGTTCTCGAAAAATAATCTTCCTTG
CCAAAAAAATTACATCTTCATCCAGAGAATCTCAGGCGGATGAGTTATTTTATTTGCCAGTTTTTGTAAAGT
GTCATACAAAGGAATAAGAGTTTGTATCTTCTTGTCAGGTGTGATAACTATGGCATTCCCATGTCCCAATCT
TTGACATTTACGCTGAAATTTTATTTAATCATTTTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4605 XM_002890090|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata XH/XS domain-containing protein,
mRNA

TGCAACGGACTTCGAAAAGTTGTTTGAGACCAACGATCATAGCAAAAGGAATTGGAAAACCAAGACTGATTC
AAGCTTGATATTTATGGTTGGTGTGCACGGCTGATGATTATAATTCAAATGAACCTATAGGAGAGTTTTCTT
CGACAAAGAGGGAAATTGAGGACTGTCTCAGACATCGTGAATGAAGCAACTCGAAGTAGAAATACTGTTGTG
GAGAATCTGACACATGAAATTGATTTGACAAATGAAAACCTGGATGAACTACACTACAAGTACAATGAGAAG
ACGATGTCTTTGAGTAGGATGCTTGACAGAGAAAGACCAGCTTCACCAAGCTTTTGTGAAGAACTAGAAAGA
CGCAAAGACTTGACGAAATAATGTTCAAAGAATATTAGAAGAACAAGAAAACCTTGACCAAGAATTGGAGG
CGAAGAAAAAGAACTTGATTCCTGGAGCAAGCAATTGAACAAACGTGAAGCATTGACTGAACTTGAGAGAC
AAAACTTGATGAAGAGAAGAAAAAGAATGATATGAGGAACAATTCGCTCCAATTGGCTTCTATGGAACAGA
GAAGGGCTGATGAAAATGTCTTACGTCTTGTTGAAGAACAGAAGAGAGAGAAAGAAGAAGCTTTAAGCAAA
ATT

>trans_s_4606 Y10821|Solanum tuberosum mRNA for plastidic ATP/ADP-transporter

TTTGACGAGGATACCAAGGTTAAAGGGAAGGCTGCCATTGATGTTGTCTGCAACCCGTTGGGGAAGTCTGG
AGGTGCTCTCATTCAACAGTTCATGATCTTGACATTTGGATCTCTTGCAAACCTGACTCCATACCTCGGAGGTG
TCCTGTTGGTTATTGCGCTGGCATGGTTAGGAGCAGCTAGATCGTTAGACAGCCAATTCAGTGCCTGCGTCG
GGAAGAAGAACTCGAGAAGGAGTTGGAAAGATCAGCCGTGAAGATCCCAGTCGTGTCGCAGAACGACGGTG
ACAATGGCTCCCTTGCGAGTCGCTCGCCTTTGAACCCGACCCAGAACAGCCGATTCTGCAAGCAGTTCATCTG
AAACCTCAGCACCCACAAATGCTTAGGTTTGTGTTTTCAATTGCTAATTCAAACAAACATGGAGAATTTGGTTT
GTTTGGCTTAGAATTTTGTCTTAGTTTTATAGAAATAAAAGTAGCCAAAGACAGAATGTGATCTGACTTTTTCC
AGAATATCTTTTTTCTTCTCAATATAAATTCAATGGCGCTTGTAACCGTATTGGTAATCGCATTTTATATATAATG
GTGGTGAATCCCCCAGTTTTATTGTAATTCTATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4607 XM_002869488|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nuclear movement family protein,
mRNA

CCTCATTCAACTGGGCCGATCTTTTCGAGCCATTTTAGCAGTTCCTTCTCTTTGTGCGCCATGGCGATTATCTC
CGACTACGAAGAGAAGGAAGAAATCCCAAAGCCAAAGAGGCCTTCATCTTCTCCTCTCCATCTTCTTCTCAT
CAGCTAAGCCTTCTCAATTCAATGCCAACTTTGACCCTTCAAACCTCTAGGGTTTTTGGAGAAGGTGTTTCGAT
TTTCTTGCCAATGAGACCGATTTTCTCTCAACGATAGAGTCGAGAAGGACATTGAGACGGTTGTGCGCAGAG
CTGTGGAGAAGAGAAAGAAGCATGAGGAGTCACTTGAGCTTAAAGGTAAGGCTGAAAAGAGGATTAAGGAG
GAGGTGAAGAGTGTTAAGCAGGAAGCTGCGCCGCGCAAGGCTGTTGCATCGCCGCCGAAGAGAAAAGTGG
GTGAGAAGTTGGAGGAAGTTACCGAGGAGAAGAAAGAGGACAACGGGCCAAGAGTCCCCAACAAAGGTAA
TGGTCTTGATATGGACAACTACTCTTGACACAGTCTCTCAAGAAGTCAATGTTAATGTACCTGTACCAAAAG
GAACTAAGTCCAGGTTCTGTTGTTGTGAGATCAAGAAGAATCGTCTCAAAGTTGGACTAAAGGGGCAAC

>trans_s_4608 Novel Gene

AAACACATACATGATGATACCTGATTAATTGTTATAGTACTTTTCTTAAGTTAGGTATCTAAGAACAGGCTGATT
TTAAAAAATAATAATAAAAAAGTAGAAGGTGAAAATTGGAGTATGAAGTTGCGAAGAGGGACAAGGTG
TGAATAATGATTTAGATAGGAAGAGAGTAAGAACAATGATATAATTGCTTCGAGAGTTTTTCTTTTACTTATT
TTGATTGTTCTATTATTATTTCTATATTTGTTTTGGATCGCTAAATTTAAGTGGACTTCAAAATTAATTGGTG
TGGGTGGACTTCTTGAGTGTTGAGCTTAAATTTGAAAAAAACAGTCCCAACGCAGCCCTTGATGACAGACA
TGTTAATTGGTCGAAAATTTCTATCACGCATTGCCCCATACGTACCTCCCGTAGTTTATTATCACTCCATTTGT
CATTAGGTACTCGCTTAGGCTCTCCACCGTTTCTTAAATTAATTTTCATATGTTAAGAATTACACCTTTGGTT
AAATTGGTTGTTGGTACTCATTTTTTTCATAGGCTTTTGAATGAGCTACACCCTTGAGTTCACCAGGTTAAT
TATTTCCCTTCACTGCCTTGAGCTTGAATAGCTTCAAGTAGTTTTTGGTCTCGTA

>trans_s_4609 NM_001063634|Oryza sativa Japonica Group Os06g0207200 (Os06g0207200)
mRNA, complete cds

ATCCAATTTCACTCCCATCTTTTTCATCCATCGACTCAACATTTTCATCTTAGATTTTTTCATCCTCAAATCCTTCACT
ATGACGCCGATTTCCGAAACCGATGCCGCGCTGATGTTTCGTCAGAATCGCCATGTTTCGCTTTGTTTCAGCTTCT
TGTCTATTTGATTCTCTCAAATCCTCCAACCTCTTCTCCAACGACCAGAAATTGAGATCTCTCAGCTTTAAACC
GGCTCGTTCGTCAGTATTCGCCGTTTCTGGCTGCTTTCTGATCTTCTCCCGGCGGTGAGCTTTCTCCGTC
GTCTGTTTCGTCGCGGTGTTCCGATGACGGTTGCAAGTTGTAAAGAGTCGAATCGATCGGATCGAATTGAATT
GTTTCCGATTGACATTTTCTGGGTTAGTCATGTAAAGTGAAAAAGAGTAGGGGGTGATTTATGTTATTTGTTA
AAAGTAGAGGGGTTGGTTTGGGTGAATTCTGATTATTTGATTGTTATTTGAATGATTCTTTGTTCTTTGGTA
ATGGTAATGCAAATTATTTGACTTATTCATCCATTTAAACTATTTTCAATCTTATTATTTTTTCTTGCACCTCCAC
AAGACAAAAAGATGATCAGAAAAACGTGGACTCAGCTCTGCTGAAGTCC

>trans_s_4610 XM_002323449|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,
ABC transporter family, mRNA

AGAGGAGTTCAACTATCAGGTGGACAGAAACAAAGAATTGCAATTGCCCGCGCATTGATCAGGAAGGCAGA
GCTTATGCTATTGGACGAGGCAACAAGTGCACTTGATGCCGAGTCCGAGCGATCAGTCCAGGAGGCGCTCGA
CCGAGCTTGTTTCAGGAAAAACCAATCGTAGTTGCCCATCGACTATCAACTATCAGGAATGCTCATGTATTGCA
GTAATTGATGATGGCAAAGTTTCCGAACAGGGATCACACTCACATTTGTTGAAAAATTACCCTGATGGGTGTT
ACGCCAGGATGATTCAATTACAAAGATTACACACAGCCAAGTCATTGGTATGACATCGGGTTCAACTTCCTCA
GCAAGAACTAGAGAGGATGAGGAGAGAGATAGCTAGGAAATGGGACCTTTGTAGTTAAAAAAGAAAGGA
AAAGAAGAAACAAACACACAAAAGCCCTTATACCCTTTATTAATTCTTTTGGGTTTTGTGCATTTTCTATCCATG
AAGTATATTAAGTGATTGTCTTCATCTCCTTCTCTTTTTGCCTTTTTTTTAGAGAGAGAAAAAAATTAGTCTT
AAATCTGTCTTAAATATATCAATTTTTAATTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4611 XM_002299199|Populus trichocarpa ZIP transporter, mRNA

GATACAGCAAGAACAAGGTAACCAAAACCAAGCAAAAAGTACCCAACCTTCTTGACTACTTTGCTAAACCA
TCTCTTCCTTCGCCATAAAGATTCTCTCCAAAACCCATCCAAAGAAGAAAAAAGATTTTTAGATTGCTTCAA
TAGCAGCGGCAAGTTCCTCGCTGCTTGAGAATTTGGGCAGCTCCTTCAACGGTTATTTCTGAATTTGGAAGGT
TTAAAGCCCTCGAATCGGTTTGGGGGTTTTATTGCTGTGATTACCGACGCCTTTGAATTCAGGATACAACCTCT
ACAAAACCTTACATGGCTTCGCAGGTGTTGGAAGCTTTGGCACTTTTCGCTTGTTGGGTGGATTCACTTCTCTA
GGTGCACTTTTTGTGGTTCTCAGTGGGGCTCAAATTTGAAGATGCTTGGTCTTTTACAGGGATTGCTGCAGG
CTGAATGTTGAGCATTTTCGTTCTGATTAGCTCATAATGCTATTAACCTCAATTGGATTCTTAAAGGAAATCT
TTGGTTTTTGTGGTGTAAATTTCTTGCCTTTGTTGCTCACTTTATCCAGAACCCTCTTGGTCTGTTTCA
GATACAAACGTAGGAAGGACAAGGACGAAGGTGGGCAGGATTAATGAAAAAGCAT

>trans_s_4612 NM_100653|Arabidopsis thaliana HTB1; DNA binding (HTB1) mRNA, complete cds

AGCACTCACTTTGCTCGCTTTTAAGAAATCCCATCTTCGATAAACTCCAAATTCCTTCGTTATATTTAGCAAT
GGCGCCAAAGGCCGAGAAGAAGCCCGCCGAGAAGAAGCCAGCGGCGGAGGAGAAGAAGGCCGAGAAAGC
TCCGGCGGAGAAGAAGCCAAGAGCCGAGAAGAAGCTTCCCAAAGACGCCTCCGATAAGAAAAAAGAGAG
CCAAGAAGAGCATTGAGACTTACAAGATCTACATCTTCAAAGTTCTCAAGCAAGTTCATCCTGATATCGGAATC
TCCAGTAAAGCCATGGGGATTATGAACAGCTTCATCAACGACATTTTTGAAAAGCTCGCTCAGGAATCCTCAA
AGCTCGCTCGCTACAACAAGAAGCCGACTATCACCTCTCGGGAGATCCAAACGGCGGTGCGCCTTGTTCTTCC
TGGTGAGCTGGCTAAACACGCCGTCTCTGAGGGTACCAAGGCCGTTACTAAGTTCACTAGCTCTTAGATTGAT
AGATATTAGGGGTTTTCTCGTGAAAAATGCAGGATGACTGTTCTGGATCGTTGATTTCTTTGCTTGTTGCATAT
TTTGAATTGAATGAATGAAAGTCGGTTTACATAACCTGGATTCTTTAGTCAATTGCTTGATTATGTT

>trans_s_4613 HM370495|Gossypium hirsutum S-adenosylmethionine synthetase (SAMS) mRNA, complete cds

GGGAGCTCACGGTGGAGGTGCTTCTCTGAAAGGACCCAACCAAGGTGGACAGAAGTGGTGCTTACATTGT
CAGGCAGGCTGCCAAGAGCATTGTAGCAGCTGGTCTTGCTAGGAGGGCAATCGTGCAGGTCTCTTATGCCATT
GGTGTGCCGGAACCGTTGTCAGTCTTCGTTGACACATATGGAAGTGGAAAGATCCCCGACAAGGAAATTCTTA
AGATTGAGAAGGAGAACTTCGACTTCAGACCCGGAATGATCACGATCAACCTGGACTTAAAAAGAGGTGGTA
ATAGCAGATTCTTGAAGACAGCCGCATATGGACATTTTGAAGGGATGACCCTGATTTACCTGGGAAGTTGT
GAAGCCCCTCAAATGGGAGAAACCTCAATCTTGAGATGGGTTGGTCTGTTGAAAGCCGCCATGGAAATTGGA
AAACCGACCTTTTTTACTACGGGATGAATAATGTGTGTGCTGCCCCCTTATAATCTAAGGTAGTAGCTGCTAAT
GTTTTTTTTTTTTTCCCACATGTGAGATCCTTTTGCCTCGCCTTTACTTGTTTCTTTCTCTTTTCTTTTGCTTA
TTTACGTTTCATGATGTATCCATTTTGAATCAGTTTTTATAATATGGAAGGGGATTCTGTT

>trans_s_4614 NM_099991|Arabidopsis thaliana PDH-E1 ALPHA (PYRUVATE DEHYDROGENASE E1 ALPHA); pyruvate dehydrogenase (acetyl-transferring) (PDH-E1 ALPHA) mRNA, complete cds

CCTGATGAACTCTGTGACCCTGATGAGAAGGCTCGTTATGCTGCTAGAGATCCCATTGCAGCTTTGAAGAAGT
ACTTGCTGGAGAATAAACTAGCCAATGAACAGGAGCTAAAGGCAATAAAGGATAAGATAGTTGAGGTGGTTG
AGGATGCAGTTCAATTTGCAGATGAAAGCCCCCTTCCAGCAAGAAGCCAGTTATTAGAGAATGTGTTTGCTGA
TCCTAAAGGCTTTGGAATTGGGCCTGATGGAAAGTACAGATGTGAGGATCCCAAGTTCACAGAAGGAACTGC
ACATGTCTAAACTTCACAAAGTTTGTTGTCTATCCAAGTCTTTTTATTTATTTAATTTGTTTTCTTCTGTTTCT
GTTGGGTTATTTTCTGATTATTAGTAATTGAATGTTAAATTAGCTTTTTTCTTAAGCAACCAGGAATTTCTTCC
TTTCTTCAGGTTATCCTGTAGTTTTTTTTTTCTTTTCTTCTTTTCTTTTCCCAATTTGATTTAGTGTATGATA
CAAACGTTCTCTACTAATCTAGTTATGTGGGAGATGGAAGCATTGTTAATGCTTTACATATTATGTTTAAATA
TCATGATTATGTGCAGTTTAAAGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4615 NM_001069527|Oryza sativa Japonica Group Os09g0363500 (Os09g0363500) mRNA, complete cds

TGCCATGAACACAATACAAATTTGGTTTCTACCTTCGAGTCAACCCACCAAATTTGTGGATTGGATTTTTGTCTG
TTTTGGCAGAACACAGAGAGACCTGAGTGAATCATTTGAACAAGGGAAGTTGCTTCATGGATCTCATAAATCT
TCGAGCGGTACAATTCAGACAACCTTGACAAAAACAATGCAAACCTTCTGAGGATAACACTAGCAAAGCTGAAC
TAATGGATGCACTGCTACATTCACAAACCCGCGCTAGGGAAGCTGAGATTGCCGCAAAGCGAGCTTATGCCG
AGAAGGAGCATATAGTTGAGCTTTTCTTTCAGACAAGCAACCCAACCTTTGTCATATAAGCAGTGTTTCAACTG
CTGCAGCTAGAAAGCCTGCAGATAAAGAACAGCAATCAGCCGATGTCCACTCTTTTCTTTGTTTCTTCCATG

GAAGTCGTACAAGAATATGGTGTCTCAGAAGCGGCGGAGAGTCACTGGGCAGAAAAGAGTCGAGCAGGATC
GGCATAAAAGTGATATTTCTACTTATGCTGTTGCTTTTCTCTAGGATTGAGCCTGGTCAGTGCAGGTTTTCTTC
TGGGATGGACTGTAGGATGGATGCTTCCTTCTTTCTAGGCTTTAGTTTGATGAACCTTCTCTT

>trans_s_4616 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

CTTGTGGTCTTTCTGCCAACAAAGATCTTTTAGAAGCACATATTCCGCCGGGGGGACGATTGGGGCGTGGACA
TAAAGGTCTTTATGACACAATCAATAATTCGCTTCATTTTCAATTAGGTCTTGCTTTAGCCTCTTTAGGGGTTAT
TACTTCCTTGGTAGCTCAACACATGTACGCTTTACCTGCTTATGCGTTCATAGCACAAAGACTTTACTACTCAAGC
TGCGTTATATACCCATCACCAATACATAGCAGGATTCATTATGACAGGAGCTTTTGCTCATGGAGCTATATTTT
TATTAGAGATTACAATCCAGAACAGAATGAGGATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTATC
ATATCCCATTTAAGTTGGGCCAGCCTTTTTCTGGGGTTCATACTTTGGGGCTTTATGTTTATAATGATGTCATG
CTTGCTTTTGGTACTCCGGAAAAACAAATCTTAATCGAACCCATATTTGCCCAATGGATTCAATCCGCTCATGG
TAAAACTTCATATGGCTTCGATGTACTTTTATCTTCAACAAGCGGCCCGCGTTCAATGCGGGTCAAGCATAT
GGTTGCCAGTTGGTTAAATGCTGTTAATGATGGTCGTACGGTGTAAACAGCTT

>trans_s_4617 FJ619056|Jatropha curcas ribosomal protein L37 mRNA, complete cds

ATAGCCAAACTGCAGAGAGAATTCTTCTCCCTAGGGTTTCTTCGTCCTGCATCAATGGGAAAGGGTACGGGC
AGTTTCGGTAAGAGGAGGAACAAGACCCATACTCTCTGTGTACGGTGCGGCCCGCGCAGCTTCCATCTTCAGA
AGAGTCGTTGTGCAGCATGTGCTTTTCCGGCTGCTCGCAAGCGCAAATATAACTGGAGTGTGAAGGCAATTAG
AAGAAAGACAACCTGGAAGTGAAGGATGAGGTACTTGCGCCATGTTCCGCGTAGATTCAAGAGCGGCTTCAG
AGAGGGTACTGAAGCTGCACCCAGGAATAAAGGAGCTGCAGCATCAGCGTAAGGTTTTGGAAGAAAGTTCA
ATTTAATTTAGTACCCACCTATAGTTTTAGTAGGGGTTTTACTCATCTGAGAATCATTTTATATAATTTTGT
TTCTAGTTTTTGGCTTTTTATGATTAGTTGAACGATCGCTGTTTCTTAAATGTATTGTTGAATTTTGGACAA
ACGACGAATCAGATTGTTCTGCTATTTCTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4618 NM_127954|Arabidopsis thaliana SNRNP-G (PROBABLE SMALL NUCLEAR
RIBONUCLEOPROTEIN G) (SNRNP-G) mRNA, complete cds

ACTCGCTGTGACCTTCTTCTCGATTAATTAGGGTTTTTTCATCTCTCTGACCTCTGTTCTGTAGAAACCTCTTCA
CAGCTCTTTCTTTCGTTCTTCACCATGAGTAGGTCAGGACAGCCTCCGGATCTCAAAAAATATATGGACAAAAA
GCTTCAGATAAACTCAATGCTAATCGCTTGTAATTGGAACCTCTCGAGGCTTTGACCAATTTATGAATCTAG
TGGTTGACAACACAGTGGAAGTGAATGGCAACGAGAAAACTGATATTGGCATGGTGGTGATTAGAGGAAAT
AGTGTGGTCACTGTTGAAGCACTTGAACCTGTAAACAGGATGCAGTGATTGCGAACTTGGAAGTTGGTTTGAT
TCTTGCTGCAGATCTGTTTAATAGATCGAGTGATAAACATTCGGAATGTTAATGTATAATTTTGGGATGTTATG
GATTTTAGTTGGAATTCCTGTACTCCATCATTCTGGACAGCCAGGATTATAATTCAGCAGTGGGGTTTTCTGTA
TTATTCTGGGAAAAAGAGATTCATTGCATTGGGTAAGATTTTCTCACGAAACATTACATTCTCTCTTCTACCAA
AGCACCAAGATCCAAATTCTATTGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4619 AY081851|Prunus dulcis 60s acidic ribosomal protein (AL60SRP) mRNA, complete
cds

TTTACAGAACCCTAACTAACTCTCTCTTTCTCTATCTTCCGTTTCCGATTTGCACTCTGCAAAGAACGATGAAG
ATCGTTGCTGCCTATTTACTCGCCGTTTTGGGAGGCAACACCAGCCCTTCAGCTAAAGATTTGAAGGATATTCT
CGGATCTGTTGGAGCTGAAATTGATGAGGAAAGAATTGAGCTTCTGCTCTCTAATGTTAAGGGTAAGGACGTT
ACAGAGCTCATTGCATCCGGAAGAGAAAAGCTAGCATCTGTTCTTCTGGTGGAGGTGCTGCTGTGGCAGTTG

CTGCCGGAGGAGGTGGTGGTGGTGCAGCTGCCCTGCTCCAGCTGAAGCAAAGAAAGAGGAGAAGGTTGAA
GAGAAGGAAGAATCAGACGATGATATGGGCTTCAGTCTTTTCGATTAAGTATAATAACAAAGTTGAATGTTCA
GAGATTCTTCAAGATTTTAGATTTTGAATTTTGTTCACATGTAGTGTTTAACATTATCGTGGTGTATG
ATGAGCCTAATGCTGTACTTTTATTTAATTAATGAAGTTTCGTCGTAATTTTGGATGCTCTAAAACCATCTGT
TTTATATGAGAAAAAATGGAATTGCCGCCAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4620 XM_002308374|Populus trichocarpa stress-induced hydrophobic peptide, mRNA

TTCCTTGTTTATTTTTTCCATTTCTTAACCCATTGGGAGTCTGCCATACCTAACCTACCCTCCTCTCCTCGTC
TCGTTTTCTGAATTGCTCAGACCGCCATTAAACATGCCATCTCGCTGTGAAATCTTCTGCGAGATTCTCATT
GCTATCTTGATTCTCCTTTGGGCGTCTGTCTCCGGCATGGATGTTGTACCGTTGAGTTTTGTATATGCCTTCTG
TTGACGTTTCTCGGTTATGTTCTGGAATTATCTACGCTTTGTATGCCATCGTTTTCATCGATCGCGATGAGTAC
TTCGATGAATACAGACGTCCTCTGTATGCGCCGGCCTAGATTCCATAGGTATTCGCTTTTATATCATTCTTGT
GCTGTAATTATTCCGAATTCATCTGTTGCGATTGGATCTGTGTATCGTGTATTGCGGTTCTGTTTCTGCTAAA
ACCTTGATTTCTTGCTAACTCATCCTGATGGAGTAACCAATTAATCGATGTTGTTAATGGAACGACTACTAT
TTGCTTGTTCAATTTTCTACTAGGAATTTAGGGATTATGATAGAAAGAAAACTATAAACAGTTGAGTTTAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4621 AY389696|Hyacinthus orientalis sucrose phosphate synthase mRNA, partial cds

TGCAACAGGTTGGAATGTGGTTGGATCTGAAAGATAGATTGATGGTTGGTGGTCCGATCATGATTAAGTCCG
GAGGGAATGAAGTAGTCCATGTTACTGAAAATGGTATGCGCAGTGAAGTATCCTCGACCGATTGCTTCTTGCC
ACATATTTCTGTGATTGAGGCTCTTCCGAAGTATTCCTAACAGTTGTGTTGGAAAAATTGCCTAAAGAGA
AGGGTGAGAATTATCTTGCTCTGACTGGACCAATTCCTGAATTGCACTCCTGGTCTGCTGTTGTTCCAGAGCCA
TTAAGAGAGAGTGTGAAGGAGTGGAGGCCGTATGAGCGCCTTCATGATCTACAACATGCTCTTGAGATTTG
ATGGTTGAAGGTGATTTCAGAATTTATGACGAACACTAACCATGTTCTTAAATATCCTTGAGCTTTTGAGTT
GTTTCGTATAATATGTTGCTGCTCCCAATTCATTTGTCAATTTGTCGTTACGTTAGTTTTGGTCATATCAATAAG
CTATTATTGTGTATGTATGGGGTATGAGTAGCATTGAAAAAGTTGGATTGATCTTTGATTCTGATAGCTATT
GTTAATCTCCTTCATAACCTCATTATATCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4622 AF123265|Lycopersicon esculentum remorin 1 (rem-1) mRNA, complete cds

TCCTTTTTCTCCTTTCTCTCCACTCCCATGGCTGAAGAATCCAAGAAAATCGAATCCCCGCCGCCCTCCGATCC
TCCTCCCCACCGCCTGAAGAGCTCCCCAAGACGTCGCCGAGGAGAAATCCGTCATTCCCCACCGCCTGAA
GACAAAATGATGACTCTAAAGCCCTCGTTCTTGTTGAAAAGGTTCCAGAAAGTTGCTGACCCAAAAGCACTG
AAGGCTCTGTAAACAGAGATGCTGTGCTAGCAAAAGTTGCAACAGAGAAGAGGTTGTCTCTATTAAAGCTT
GGGAAGAAAGTGAAAAGTCCAAGGCAGAAAACAAAGCTCACAAAAGCTATCTTCTGTTGCTGCATGGGAGA
ATAGCAAAAAGCTTCTGTAGAAGCTGAGTTGAAGAAGATTGAGGAAAGTTTGGAGAAAAAGAAGGGCGAG
TACATTGAGAAAATGAAGAACAAAATTGCTCTGCTCCACAAATGCAGAGGAAAAGAGGGCGATAATCGAAGC
CAAGCGAGGAGAAGATCTTCTCAAAGCAGAGGAGACGGCTGCAAAGTACCGTGCCACCGGTACTGCCCAA
GAAGCTTCTCGGCTGCTTCTCGAGCTGAATGTCTCGTTTCCAATCTCTGATTATTGCATGCGGTGTA

>trans_s_4623 NM_001051458|Oryza sativa Japonica Group Os01g0869000 (Os01g0869000)
mRNA, complete cds

TAGAGAACTTTTGCAGAATCTGAATGTGTGCTCCTGAAAATCCGTACAATTGTACTTGACGGCCAGACTCAA
ATAACCACTGAAGTTGCACTGGTGTGTTGGCTTCTGCAATTATCCTCCTTATTGTTCTTTCACTATGTACTA
TCTGTGCTAATATTTGATCTCTTACACGCGAGCTTCAGTTTCGACAGGAACTGTAAAGAGATTTCATGAAATT

CTTGAGAGAGCGTTGGGATTCTGTGCCTGCATCGCCTGTAGTTGTCTTACCATTGATAATAATGAATTAAAGC
CATCATCAACTGAACAAAAAGAAGCTGAGCAGCAACAGAAACCAAAAGCTTAGAGTAGTGTCAATTGTCTTCA
GTGCATAAGAACTAGAATGTTAATATCTATACAAATAGGGTTTTTTTATAATGCAAATCCCTCTTGAAAGGG
TAAAAAGAAAATCAACCGCCTTCTTGGTGCTGGTAGTGCTTTCTTTGTTGGCAAATTGAAGAAAGATGGTGT
CGATTAATATATTTAGCTCTCAAGCCCTTTTCCTGTTACCTTAGGCTGTAACTCTGATTGGTATTCAATTCAC
TCCTGGAAAACTTACAATAAGAATCTCTCAAATTGTTCGGAAGTGTAAAGAAA

>trans_s_4624 AY128291|Arabidopsis thaliana At1g31850/68069_m00154 mRNA, complete cds

CCGCAGAAGGCCATAGATGTGAGATGAAGTATGTGCTTTTGGAGATGGATCGAATCCTGCGTCCAAATGGGT
ACGCGATAATTCGAGAGTCTAGCTACTACGCAGATGCAGTAGCCTCAATGGCTAAAGGGATGAGATGGGGAT
GTCGTAAGGAAGAACTGAATACAGTACCGAAAAAGAGAAGATATTGATTGCCAGAAGAAGCTTTGGTACT
CTTCTAACCGGAAATCAAGATGACAGACAGGAGAAAAATAAGCTGGCCAGCCAAATCCAGGTACTTATACTTT
CAGAATCAAAGCGAAGCAAGTTCGATAGAAGCACAAAGAGATTAGTTTACTTTTACAAAATACTGGGGAAAC
TACAATATTTCTCTCGAATATCTTCGACGATTAAAGAATTGGGTGTCAAATAGTTTGGTTATATTTATTTTACA
GGGCCTCTTTCATATAGATATATTCTTTTGCAAGGGAGCAAATTGTATGTCAAATTTTCACTTTTTTTCTGTAT
CTTTTCTGTTCAATACTACTTTTGTGCTCTACATTGAAGTAATTGATGGGTGTTGAGATATCAAGGTATGGG
CTAGAAGGTTTCAAACCTACAAGTCCATTCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4625 XM_002873578|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cephalopod, mRNA

TGCAAAATTCAGCTATACTTCAATTACTGGGTTGAACAACAATAGCTATCAGATTACTAGAGGAGAGGAACTA
AATCGCATTGCAAAATTGGATAAGACTTGCAACTTTGTCAAGGGCGACTTTATGAAAATGCCGTTTGATGATA
ATACATTTGATGCAATATATGCAATCGAAGCCACTTGTACGCTCCAGACCCTTATGGCTGCTTCAAGGAGATC
TACAGAGTACTAAAGCCTGGCCAACGTTTTGCTGCTTATGAATGGTGCTTGACCAACTCCTTCGATCCAAATAA
CCAAGATCACCAAAAAATAAAGGCTGAAATTGAGATTGGCAGTGGGCTTCCAGATATCAAGACAATAGAAAA
GTGCCTGGAAGCTTTGAAACAAGCAGGTTTTGAGATCATCTGGGGAAAAGACCTTACTGAAGATTCACCTGTT
CCATGGTACTTACCATTAGATGGTGGTCAGTTCTCCATCACCAACTCCGCGCTACGGCGATTGGGCGTTGCGT
GACAAAATATATGGTTAGAGCATTGGAGTATATCGCCTCGCCCCGAAGGGTAGTGAAAGAGTTCAAATTTT
CTAGAGCAAGCAGCACGAGGGCTGGTTGAGGGCGGAAGGAAGGAGGTCATGACCCCTATGT

>trans_s_4626 AB112673|Cucumis sativus CsARF3 mRNA for auxin response factor 3, complete cds

TCCAAATTCAGTAGCTACCATCAGCTACGCAGTGAGCTTGCTCACATGTTTCGGCCTTGAAGGCAAGTTGGAGG
ACCCTTTGAGATCAGGCTGGCAGCTTGATTCTGTTGGCCGGGAAAATGACGTCCTTCTTCTTGGGGACGATCC
CTGGCCGGAGTTTGTCAACAGCGTGTGGTGTATCAAAATACTTTCACCACAGGAAGTGGAGGACATGGGCAA
ACGCGGCCTAGAGCTCTTGAACCTGTCCCTATTCAGAGGCTCTCAAATGGCAGTTGTGATAACTACGCCAAC
AGACAGGAGTCATCCAGAAATTTGAGTTCTGGGATAACTTCTGTGCGGTCTCTCGAGTACTGAGGCATTTAAC
CGGTCAACATGCCTTCTGTACTATTATTAGCTCTCTCAGTTACTTTTTCTTGAGAATGTAAAAGCAATGTTAG
TTTGTTAACTTGAGCTCAGATATGAGCCAAAACTGTAATTAATTAAGTGGTTCCTCTCTCCCTTCTGTTTTAT
CATACATACAGGTATTCAGGACAGCTTTGTATGACTGGAGATAGCTTTTGTTATTTGCTATATATTGCAGTTTTA
TAAATGAAAGTTCTATTAGAACCGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4627 NM_001059256|Oryza sativa Japonica Group Os04g0408700 (Os04g0408700)
mRNA, complete cds

ATCTCCGCTCCTTTGTATTTTTCTCGAAGCTTCGTCAAGTTCATCTTTTGGTACATAACTACAACACCAGCTCT
CTCCGATTCTCAATTCAGCCATGGAAGACGATTTCGACTTCGGCGACAAGGTCCCGCCGGCCGTTAACCGCA

TGAGAAATGTGATTAGAGATGGAGAAGCAAGAGGATTCAACCCAGGACTGATTGTGCTGCTTGTAGTTGGTG
GGTTGCTATTTGCATTTCTTGTGGGAATTATGCTCTCTACATGTATGCCAGAAAACACTCCCACCAAAAAA
GAAGAAACCAGTTTCCAAAAAGAAGATGAAGAGGGAGAGATTGAAGCAAGGTGTCTCTGCTCCCGGAGAGT
AGAAGTGTAGTGGTAGACTTTTCTCTTATGTTTTGTATGCCTGTTCTGATTTGGTTGAACTAACAAGTTCTACC
AAATGAATGTCAATGTTTGAAGAGTTGTTTTCTTACGTTGTTAAGTTGGTTAGAATCTGAACATATAAGTTGA
GGTTTATTGTCGCTTGTATCCTTAGAGATGAGAAATAATAAGAATATAGTTTATGTAGAGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAGCCCCCGGCCCTCAAAAACCTTATCAATCCCGCCAACCCCA

>trans_s_4628 NM_115133|Arabidopsis thaliana ubiquinol-cytochrome C reductase UQCRX/QCR9-
like family protein (AT3G52730) mRNA, complete cds

ACGAATCAAGCAATTCATTCCTCTGTTGTCTTTTCTCTCAAACAAAGGCGCGAGAAGTTTTTGCAAACCCTAAC
GCTTAGATCAGAAGAAGAACTCGCGAGAGACCCCAATCGACAATGAATTCAGCAGGTCGAAGGAGCGGGGG
AGGCCTTCTCGAAGGTTTTTACAGAGTGATTATGCGCCGTAATTCTGTTTACGTCACATTCATCATCGCTGGTG
CCTTTGTTGGAGAACGGGCCGTGGATTATGGAGTTCAGAAGCTCTGGGAGTACAATAATGTCGGGAAACGGT
ACGAGGACATTTCAGTTTTGGGGCAAAGACCAGTGGAAGAATGAATTTGTTAGCCACTTAAAAGCTACACAAT
CATGGATTCAAGAGGTAAAGAAACTGGCTGTCTTAGGATGGTAAATGAGAATGTATTTCCAATGGGAAAAAC
GTTCTCTTTTTTTTTCGGTCTGGAAAGTTTTTGTTCTTCATGAGATTCTAATCGTATTTTATTTGATATAAGTTT
GGAGTTACAAGCTTGTCTATTATTTGATTGTTTCATCAAGAATACAATAAAAGCAAATGTTGAGAGTACTAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4629 AY104951|Zea mays PCO082478 mRNA sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTGGGTTTTTTTGGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTACCAATAACAATCATCTTTTTTCAATTCTTAAGTGT
TAGAAACATATATTAACAACTAAGAAAGTAATTGAATTTGAACAATTCAAATTAGACAGAATTTCTCTTTCT
GGTCGTTATGGAAACACTTTAATATGGGTGATTAACAAACAGCGGCTTATTATTGTCATCACAAAGATCGAT
GTAGATTGAAAAAGATAACGCCAAGAACTGGAAAAATTAGTCTTGCAATTACCAGATCCAGAAGTTGACTTGC
AAAATCAAGAACCCAGTTTCTGGCTCATCATATTCTATGCATTCAATCTTCATATGAGAGAATTAGTACTCCTTG
TTTCCAAATTCTTGACCAGAGCTGCGATGGAATTGGTCAATGGGATGGTGTGGCCGTTGCTCAAGCTCTG
CTGATTTTCATAGCGATAGGGATGCAGATGAGAACGATGCCAGCCATGGCAATGGCGGTATTGCGTCTCCAAT
GCTTGGGTCGGCAATAAGGTCCTCCGCTCATGCTCCAAACCTTA

>trans_s_4630 AF361321|Pisum sativum polygalacturonase (Ppg1) mRNA, complete cds

ATTCGGCTCTGTTTCAAGACGTTCTCTTCTCGAACATCCAAATGTCTGAAGTTCAAATACCAATTGTAATTGACCA
ATTTTATTGTGATAAAGCCAAATGCAGCAATTAGACTTCAGCAGTGGCTCTATCAGGAATCAATTATGAAAGA
ATCAGAGGAACTTACACAGTCAAGCCTGTACACTTCGCCTGTAGCGACAACCTACCATGTACAGATGTAACAC
TGACTACCATAGAGCTAAAACCACTGCAAGAGCGCTATCACTTATACGATCCTTTCTGCTGGCAAACTTTTGGA
GAATTGAGAACTCCTACTTCACCTCCAATCGGATGCTTACAGATTGGCAAGCCATCTAGCAACAGAGTTTCAAGT
ATGAAGAAAACGATTCTGTTAAGTTCTAGAGTATAATAATAGATTCTTAGTAGTGTTTACGTGTGTGGTCGGC
ATTTGTGACCCCTTTCTATACTTCTAGATGGTTAGATAAAGCATATATTCTGGGAAGATCTAGCTCACAGGAAT
CTTTCCATATAGGGTTAAATATATCTGAATAATATAGTATATAGGAGTCGATGTTTAACTCGAAGTTTATAGTT
AGTAATTAAGAGCAGACGTTTGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4631 NM_001067265|Oryza sativa Japonica Group Os07g0693500 (Os07g0693500)
mRNA, complete cds

G TTCCTTCATTGCTCTTCTTGGCCCTCTCCTTCTAACGATTCACAACTTTGCATCGTTTTCTCGTACCAAACCTCCA
ATGGATGCTTATCCTTTGCACATGGCCATGGCCGCTCTGATAGGAGCCTCCGTCGTTGCTGTTTCCGCGTATTA
TATGCACCGGAAAACCCTAACTCAGCTCCTGGAGTTTGCCAAGACTGTTGAGAGAGACAGAGAGCGAGATGA
TAATAATTTGGATGTTGAGTCACCCAGGCATTCCAAGAAGCAGCGTGGAACCATGTGCGCCGGAAGGGGAC
TGGTTATAATCGGAGAGCCTCCGCTTCGTTGCCGATGTTACTGCTATTTCCGGTGCTGCTGATGGTGATGATA
AACGAAATGGACAGGTTCTGTTGGATGTGATTCCGGCTGGGCTCCCAAGGTTACATACACTCCCTGAAGACGG
CGCGCTTCTATAAGGCCATGAGCTTTCTTTTCCGTATTTGAGGGTCTTATTCAGTTGATTAATTCTTAGGCCAT
GTAATCCAAGGAGTCTCTTGTCGCGTTTTTCAGAATCCAGTTCATAAATCTGTCTTTCTAAACTTTCTGCATG
GCTTACATAACCTGCTAACCTTGAGACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4632 NM_001062715 | *Oryza sativa Japonica Group* Os05g0540200 (Os05g0540200)
mRNA, complete cds

AAGAAGAAAACCTGATCCATTTCTCATCCTTCATTGGGTTTTCTTTTTTCTCCCTTCTCCTCTTAACAAACCTTTCC
ATTGCTGATTCTCCGCCGCTCCGCCACTGAAGACAGTAACCGCCAATTCTCAACTGTTTCCGTTTTCTTTA
AATATCATTTTATTGGAACGATTCAATCGCCAATTGCGCCAAAATGGCGAGTTATTTATGGAGGAAGTACGCC
GATTATCTCTACACCAATGGGAAAAAACGTTCTCTGGGATATGATCGATCCCTATAGACGACCTAAATCCTT
TACGCCTTTGGTTTCCATATATACTGCTGCTTTTTACTGGTGTTGTGCGCGCTGCCATTACCGAGCAATTCTA
TAAGGAAAAGTATTGGGAAGATCATCCCGGGGAAGCTGTTCCATTAATGAAACCAAAATTTATACTGGACCT
TGGAGGGTAATGAGGGGAGAAGTCCCTGCACACACGAAGTGAAAGCTTTAGCACTCGCCCTTCTTCCATGA
TGATACTGAAAACATATTGTAGAAAGTTAATGACCGAGCATTTGCTGTTTGCTCAAGAAATTGGTACGATTAA
TAATAATAATTCATATTTCTGTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4633 D55645 | *Cucurbita pepo* mRNA for catalase (cat1), complete cds

CTGGAATCTACTATTCGGACGACAAATTGCTTCAGACCAGGATCTTCTCCTATTCCGATACTCAGAGGCACCGT
CTTGACCAAACTATCTGCAGCTCCCTGCTAATGCACCTAAGTGTGCTCACCACAACAATCACCATGAGGGTTT
CATGAACTTTATGCACCGAGATGAGGAGGTGAATTACTTCCCTTCAAGGTTTGATCCTGCTCGCCACGCCGAG
AGGTATCCTCACCCACCTGCTGTCTGCACTGGGAAGCGTGAGAGGTGTGTAATTCAGAAGGAGAACAACCTTTA
AGGAGCCCGGAGAGAGATACAGATCGTGGACACCAGACAGGCAGGAACGGTTTATCCGCAGATGGGTGGGC
ACTTTGTCCGACCCTCGTGTCACCACGAGATCCGCAGCATCTGGATTTCTTACTGGTCTCAGGCTGACAGGTC
CGTTGGTCAGAAGCTTGATCTCATCTCAACGTGAGGCCAAGCATTTGAGGAGTGTTGAGTTGGTAAATTATA
CGGAAAGGGGGAAGCCATTTGAGATGATCAATATATCAGTTATTAGTCCATCATGTTGTTTTATACCATGTTTT
GATATTTGCATCTCTTATGTGACTGTTCAACTTAAATATGTCAATCTAATAAAGCTA

>trans_s_4634 NM_111139 | *Arabidopsis thaliana* nuclear associated protein-related / NAP-related
(AT3G02710) mRNA, complete cds

TTTTGGGGTTAAAGACCGCCTTTGCTGCCTTTATGGGTAAGATCCCTTTGAATAAGAAAAACAAGAAAGAGCG
TTATCAAGAGGAGTTGGAAGAACGTATCGTGTCTTATTGCATCGTTATTTGGTAAGCAGGTGGTATTTTGA
GGGGTACCAGGAAGGAAAGGTTATTGAGTAAATTTGTTGAAAATGAGTGTGAAAAGATTGACCGGCTGATG
GAACTCTACTTAAGATATTCTGATAGAGTCAAAGTGGAGATGGAGCGGCTAAACCAGATTGAACTGAAGAC
TTAGAGATGGATGAAGAAGAGAAGTACAATCGTAAATTAGAATCTGGACTTTACACCTTCAGTTGGTTGCTG
TTATTCTGGGACATCTATGGTGCTCTGAACACTCTCAAATGAGAGCAAGAATTGAATTATTACTCAAGCAACAA
AACTCACTAGGCAGGACATCAAGAACATTCTTCTGGAGTACCATGACAATATTGGAGATCTGGATGGACCAG
AGGAGAAGGAGAGAACACAAGGGAAAATTCAGAAGTTCATCTCAGCTCTTGATTCTTAACTTACCTTCTTTTG
CTCTTAGCTCTAGTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTATGACAGTGTATTCTATTTGCATACC

>trans_s_4635 NM_101138|Arabidopsis thaliana PEPKR2 (Phosphoenolpyruvate carboxylase-related kinase 2); ATP binding / kinase/ protein kinase/ protein serine/threonine kina> (PEPKR2)
mRNA, complete cds

CGGGCGGAAACATAACATTGAGAATGATTATGTTTCAGGTGAGACTATTGGGCATGGAAAATTTGGCTCAGTT
TGGCTATGTAAGTGAAGGTTAGTGGAGCTGAGTATGCTTGCAAGACCTTGAAAAAGGAGAAGAGACTGTA
CATAGGGAGGTGGAGATAATGCAGCATTATCTGGCTACCCAGGCGTTGTGACATTGTTGGCAGTGTACGAG
GAGTCCGAATGTTTTACCTGGTTATGGAAGTGTGTCGAGGAGGCCGTTTGGTCGATCAGATGGGCAGTGAA
GGCCAATATTCAGAGCATCGAGCAGCCAATATACTCAAGGAAGTGATGTTGGTTATAAAGTATTGTCATGATA
TGGGGGTTGTACATAGAGACATAAAGCCTGAAAATATTCTTCTCACACATCTGGAAAGATAAAGCTTGCAGA
TTTTGGCCTGGCCACTAGGATTTCATATGGTATGCATTCTTAATCTGTAATAGAGAGTACATCTTTGTATGTTT
CTCTTTAAGTATTAGTTGCCTGATCTTCTTTGTAGTCTTCAATTGCAGACATCCAATGTTTATTGATCACCAGCTA
TGGAAGTGTTACAGTTTTTTGTTTTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4636 NM_001054213|Oryza sativa Japonica Group Os02g0667000 (Os02g0667000)
mRNA, complete cds

ACTCAATATCAAAATCGGTCTTCCGTCGTTGAATCCTCAAAGAAATCGGAACCGAACGACAGAAATGATTATA
CCTCCGATTGAATCAAGCAGGGAATTCGCTTCACTTAATCTGCACCATCAGTGTTATCCTCTTCATTTTGATCA
TTAAGGAAAGAGAAATCGCGATGGTCTTCTCCCATGATTTACGTGAATTTATTCTTCGAGCAAGAGTGTTGAA
ACTGTATAGACAGGGTTTAAGAACAGCTCGGAAAGCACCTGTTGATGGTCGAGATGAATTGAGGCATATGAT
GAGAGAAGAAATGGAGAAGAACAGAAAGTGTAATGATAGACAGAAAATAAGATTTTTGTTGAGCGAAGGAA
TAGAGAGATTGAAGCAATTAGATGAGATGTTGGATATGCAAGGCCATTAAGTAGAGATCTTCTTTTCTTCTT
TTTTTTTATTAATTTTGATTATTGGGAGTTAAGTTTTCTCCAATCATTTTGGAGTGCTCATAGAAAGGAATGT
TGTTTTAGGGGAAGGATATGAGTTTGGTTAAGGGCTTATCTTCAAGTTATTGTAATCAAATTGTGATTAAGGT
ACAAAGGAGTTATTAATTCCATTTATCACATTATTTGTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4637 NM_116564|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT4G03260)
mRNA, complete cds

ACCCCGAGGTTTACATAGCCTGAATTTGTCAAAAATAACATTGCAAACATTGAAGGCTTACGGGAATTGACA
CGACTACGTGCTTTGGATTTGAGCTATAACCGGATATGCCGAATTGGACATGGCTTGGCTTCTTGCTCATCGTT
GAAGGAGTTGTATTTAGCTGGAAATAAAATTAGCGAGGTAGAAGGTCTTCACCGACTCTTAAATTTATGCATA
CTCGACCTACGCTTTAACAAGATATCGACAATCAAGAGTCTCGGTCAACTCGCTGCCAATTACAATTCTTTGCA
AGTCATCAGCCTGGAAGGCGACCCAGCACAGAAGAATGTTGGAGACGACCAATTGAAGAAACAGCTGCAGA
GCCTTCTTCCACATCTGGTTACTATAACCGACAGCCCACCAAGGCGGTACCTTGAAGGATGGTACCGACCG
GTCAGTCCGCTAGGCATAAGTAGCCATCAGCTCGAGCATGGTGCAAGACCAGATCACAAGAGCGTGAGGAA
GACTGCTCACAGCCACAGAAGCCAGGGATTAGTCTCGCCTAGACGATACAAGCTTCGCCATGGAAATGTCCAT
GCCCTGCCCCCTACTGGAAGTAAAGTAAATGGCAGTACTCGACAACACCATCGTCCTGAAAT

>trans_s_4638 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

TTGGATGCGCGCGGGGCGGGTGAGTGATTCAATGTAAGAAAAATTTAGTGGATTCCGTTTTCAAGAGTTAC
AATTATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAAT
GTTCAAGTGCTTTCTGGGTCGTCTCAACCTTGCGGCAAAATCCCATTGTTTGGGGGCGCCAGCGTCCCCTACA
TCCAAGGATTTACTTGTTACTAATAGAGTCTAGCCTATGTTCTTCTTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTAT

TATAAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGAATGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTGAAATAGATAAAACATAA
TCTGTATTATGGCATATATATCACCTATTCTAATGGATCTTACGGAGCCTGGTCATGCACGACATGGTCAAGTC
TGATCATGGAAAAGATTCTCTTCAAGCGAACCAGCCTACCCTCTGTATGGAGCTTTCGCGGTGGTTGGAATAA
AGACACATTTTGTGTGAATCCCAATGTGGCAGATAAAAAGACATATATCTACACGGTCCAATCAATAGTTCAA
GTCACACACTCCCATAATCCATTTTCTCTCGAAGAATTCCCTTCACATCTTCG

>trans_s_4639 AF531370|Gossypium barbadense fiber protein Fb11 mRNA, complete cds

AAGCCACGAACAAGAACGGTCAGCGAATCAGGAGAAAGTTTCGAGAAAATGCCTGTCATGGAGAAGCTGAA
GATGTTTCGTAGTTCAAGAGCCCGTGGTGGCTGCATCTTGATAATCGGAGGAATTGGTCTTTTCCTCCAGCCT
TCGTAAGGCCAATTCTGGATTCCCTATGAAGCATCTAAGCAAGTTCCTCAGCCCGTATTAAGTGATGTGGTTGCA
AGTATGACTGGAAAGAAATAAGGATGATCTGTATCAGTGACACTAGAAGATTGTTCTTAATGTATCACTGTTT
CTCTTTTTTAAATCAATTTTCATTTCTTCGGCCATAAAATAAGGATGTACAATGTTTTTGAAATCAAGCTTCAT
ATCAATAGTTATTATCATAATTGCCATTGATGCATAAGACTGATTTTCAAGTTATTTAGCTTTAATCAGTCCTTT
TGAAGTCTGAGTGAACTTGCCTCACCATAATTCAGGTCTATAAACTCGTTTGTTCTTTAAGGTGGGATTG
AACAATTGACCTTTGAGATGATATCCTCCAAGCTATAAATTCGTTTGTTGTATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4640 GU563825|Glycine max glycine and proline rich protein 4 (GPRP4) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGATTATAGGTTGAACCAAAGAATTTACAATAAGAAGTAAATAAGGT
GAAAAGTGGAAAGATGGATCCAGATTATTAATGTCCAACCAGCGAAGAGTAAAAGGAGTACACAAGCCATTA
GAAAGGTAGTTGAGACAATAAGAGTAGATACGAAATTCAGAGTCTTAAGACATTATGGAAATTAGAGAAAGA
AGATGGCAACGCCGCTCGCTATCTGCACCGACACCATTCTTGAAATCAACCGACGAAGAAGGCTCGGTGAAA
AGAGATGGCTGGAAAATCACTTCCACTTCTTGAATTTCCACCACCAAACATGCCGTGTTTCCCATGTTTGTGTT
TCCCAAAGTTTCCGTGCTTGAAGTTCCCATGGTGCTTGAATTTCCACCATGACCGTGACCATAATGAGCAACA
CCATGGGGGTAATGACCGGCGCTATGGGCCACATGATGAGCTCCATATGCCGCTGCTGCAGCTGCAGCACCT
CCGGCGAGCATTCCTGCTACACCGTGCCCTGAATGGTGTGGAGCAGAGGGTCCAGGATAAGCACCAGGAGG
ATATGCGCCCGGAGGGTAGCCAGCTGGGGGATATCCTTGGGGTGGATAGCCATGAGAAG

>trans_s_4641 EF634318|Ricinus communis phosphoenolpyruvate carboxylase (PPC4) mRNA, complete cds

GTGTTTGTGAAAAGGGTCACACCGAAGAATTGAAATCGATGTATGAGGAATGGCCTTTCTTCCAAAGTACCCT
AGACCTTATAGAGATGGTTATAGGAAAAGCTGATACTCATATCGCAAACATTATGATGATGTCCTTGTTCG
GAGAGTCGACGCAATATTGGATCAACATTGAGGAAGGAAGTAGTAGAGACTGAGAAGTATGTCCTGGTAGTT
AGCAGGCATGGAAAATATCAGAAAACAACCGAAGTTTGC GGAAAGCTGATTGAAAGCCGACTCCATTATCTTA
ATCCTCTGAATCTATTGCAGGTGGAGATATTGAAAAGGCTGAGATGTGATGCTGAGAACAACAAATTAAGAG
ATGCATTGCTTATTACCATCAATGGAATCGCAGCCGGAATGAGGAACACAGGTTAAGTGGTGACGGGCTTTCA
TCAAGTGATTATTACCAAGAGCCTTAGAATAAAGAGACTATGTAGGTTGAGTTCAAACAAAAAAGAGAGCA
ATGTTAGGAGAAGAAAAACCTTTAGTTTAAGATTTTAAATGCTTGAATTAATTTATTTGAAGCATTTTATGTA
AATTTTGTGGCCAGTATTTGCATGCTGAACACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4642 NM_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)
mRNA, complete cds

GAAGGCTAACAAGCTATTATCATCAACAAAAGAGCTTACATTCTCAAATATCATTGAAATGGCAATGTCAAGG
TCTCAATTGAAGTTGACTAGGGACGAGGTTAGAGAGATCTTAGAAGAGCATGATGTGGACGGTGATGGTAAC
CTGACGAAGCAAGAAGTGATGCAAGCCCTGAACTCCATGGGTGCTTTGATGTCGTTTCAGAAAAGCTCACTATG
GTGTTTCTCATGCTGACAAAGATGGGGATGGTAAAGTCGATCTAACTCGAGAAGATGAGCTGGAAAACTTG
TTGACTATGTCATGAGGTTTCAGACCCCAAGGACCCCAAGGTCCCTAAGGTGCCAGCCCAGAAGCCTTGCCA
TGATGGTAAATCGATTGTGTAATAATCTTAGTTTATTTCTATTTATTATGTGTTTCGTCGTCGTCGTCCTGTTTTCC
AGTCCATATAGTTTACGCTACAAATTGAGCTATGGCTGTATGCTCAAATTGGCAACTATCCACATATGTTTGTT
ATCTGCAGTATTATGTGTCATCCATAATAAAAATGTCTTCTGTTGTATCCATCGATTATTATATAATAAACATTCT
CTAAACCAATGTTAAAAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4643 NM_001069676|Oryza sativa Japonica Group Os09g0408500 (Os09g0408500)
mRNA, complete cds

AGTGTTTTAATATTCTCTCCCTAATCAATACCATCGTTAAACCTAGATTTTCAGGTCCATCTCTTCAAGTTCTGT
GAAAAACCACATCAGTTTTCTCTGTTTATGTGTTAAGCATCATTCAGGGAGAAAGGTTTTGTTTTGGACAG
TGTTTTAATGACAGGAAAAGCAAGTTTAATCTCACCAACTCTCCATTCTTCTCCTTCCAAGCTTCATTGGTAT
TAATGAACTGTTTTCCCTCGACAACTATGGCAGTTTTCTGCATGGTTTTGAGAATTCATATGGACTGCAATGG
ATGTTACAGGAAAGTAAGAAGAGCTATTCTCAGTATAAAAGAGTTGGAGACCCATTGATAGAACAAAAGCA
TTGCAGGGTAAGCGTTTGTGGGAAGTTTAGCCCTCAAGATATAGCAATCAAATAAGGAAGAAAACCAACCG
CAGAGTAGAGATATTGGAGGTTCAAGAGTGTGATACCTTCAATGAAAACAATGATATCCAAGGGCCCTTGATC
ATCAATGCCTGGAAATGCCAATCAAACCTATGACCAAGTCGAACTTGTGTACGCATGAAGGTGACACTAAAG
AACAGCAAGAATTAGCTTCTTCTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4644 BT030068|Arabidopsis thaliana At3g22240 gene, complete cds

ATTACTCACATTACTCCATTTCCACCATAATTATATCTTTGCAATTCACACCTCCATCCTACGATCTTGATTATTTT
CGGCGTTTCCTTGTTGATTTTCCGTCATGAGCCAATATCGCAACCAAGAAATTGACATGGGTTATCCGGCGCCA
CCACCGTCGATGCGGCGGGGGAGCAAGCGAAAGAGGGGAAGTCGGGGCCTTATGTTGCAGCTCCGCTCC
GGTTGGATATCCGGTGAGAGACGGGCCACAGTACCCTACCAAACAAATTTGGACGCCCAAACCTCAATCTCGA
GGAGATGGGTTCTGGAAAGGATGCTGTGCTGCATTGTGTTGCTGCTGGGTATTGGATTGCATCTTCTGATCAG
GATGCTGAGTTCTGTAGGCGGTTGGTTTTGGTTGAGATGAGACCCGGTTTTTTCAGTTTAATTAGTTTAGTTT
TGCTCTATTTGTTATTTCTTTTATTATGTATTGTATATTATTTTATGTTGTTTATGTGTATCGCCCTCTTGCTC
TTTTGGGCCTTTGTATTTTCATCTTTATTCCATTCTCATTCTTTTTTTTTTATCAATAAATACATATTTTCTTATCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4645 NM_114545|Arabidopsis thaliana PTAC16 (PLASTID TRANSCRIPTIONALLY ACTIVE
16); binding / catalytic (PTAC16) mRNA, complete cds

AAACCGAAGAAGAAAGCCCCGACACTGCAGCCAATTTAGTGAACAACCTTTTTCAATAAAGCGAAGGGGTTTG
GCTCGGCACAGCCATGGGAAAAGCTATCTTTTTCAGCTACAAAAACCATCTGAGGAATCAAATGCTCAGATAGC
CACGGTTAGAGGACAAGCCAAAGCTCGAGCATTGCCACCAAGAAAGCTTCCATAAGACAAACACAAAAGAC
CAATTCAAAGCCTTCATTTGGTTTGAAGCAGAAAGAACTTCGAAGCCCAAAAAGCAGCAGCAGCAGCAGC
AGCAGCCAAAGAGGAGACAAAGGCAGAGGTAAGGAAAAGTTTTTGGTGGTCTCTTTAAGCAAGAAACCATATA
TGTTGATGATGATTAGGAAGAAATATATAATTGTCTCTTTTAACACCTTATGGCTGTGGCTGCTGATATAACTC
TTTGAAGAAGCTTATTTTAATTTGTGTATTTAAATTGTAATCTATGTATGTATCTGTGTTTATGGGGGTTGGTTG
GTTACTTGTTTTACAAGTTTCTGCAAGAATAAGTGAGCTTTTTGTGTGATTGCGACATTCATAATTGTTTTT
GCAGTTGAGAAGCAAATTGTCCAACCTCTAATTCATTAAATATTTTTTTTGGCTTTATG

>trans_s_4646 BT024530|Arabidopsis thaliana At2g37975 mRNA, complete cds

AAGATCAACAGGCTGTTTGTGTTGTTGACTAATATTTACCTCTGTTCTCCAAAGCTGAAACCCTCTGTATTG
CTCGCTCTCAGAATTCATAAAAAGAAAGATATGTGGTTCTGGACCTTCTTTCAAGGGATTCTGCTGTTTACAAA
TGCCTTCGCAATTCTGAACGAAGATCGTTTTCTAGCTCGAAGAGGATGGACATTAGCAGAGATGTGCGAGAGA
AAGAAGAAGCACGCTCAAAGGCCAGGTAGTTGGGCTCATCCATGCATGTCAATTCTTGAGACTTCCAATCATT
CTTTTCAATATCATCACCATCATCGTCAAGCTCTTCTCTGGTTGATTCAGTATATAACGTGAAAGAAAACCCTGT
ATATTACTGTATCTTGAAGCATTACATATTCGTATTTCACTAGTAATAGGTTTGACTCCAGCTTTTGCTCTTAATT
TTAGCTTTTCAATTTTCTGTTATCAACCCACTTTCTGAGTACATTTCTAAGAATCATCCAGCATATTTAGTGACCTTAA
AATCCTCTGTTTGTAAGCACATGAAGTGATCTATATGTTCTAAGAAACAAGTTGAAGCAATCCAGTTGATCTC
AACAAATGAAAGTATTACTTAGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4647 NM_001055375|Oryza sativa Japonica Group Os03g0128400 (Os03g0128400)
mRNA, complete cds

AAAATGACACGTGGATTACGAATGGAAGAAGCACCAACCACTCCCTCTTCTCTCCGGAAGCTCCGAAGTCTT
TGATTACGACTAATTCACCGACGGTGAAGAATGGCTTCCATCTTCGTTGCGCCGCCGTCTCAACTGAATCTTA
CATCCCGCCGGAGTTTGACTCACAGAGCCGTTCTTCTTCTTCCATCGCCAGCATTCAATTTAGTCGAACGCCT
CTCCATTTCTTCTTTCAGCAACAGGAAGAACATCATTGGATTGGAATTAAGGCAAAGATCTATAGCAGCCTCA
AAATCCACAGATGGGAATTCCATCAAGGAGGAAAATAGTTCGAGTAAAGCAAGTAGTGATGATGCCCAAGGT
CCTCCATTTCTTACCATTTTGGCTGGATTTTTGTCTTTTCCCTTATACTATGGATATTCAGTTCTGCTGTTACCTC
ACTTTTAGGTCTAGTCGTCAAGCTGATCTCAGCAAAATAGTGTCGCATAATTGGAAATGGAATAATTTTCATGTT
TCTAGGCTTAAATCTGTATGGTTATATTTGTAGCAAACTTACCTGTTAGCCAGTTTTAGCTTTATTTCTAGTTA
ATAGATTTTATTTTCATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4648 BT003087|Arabidopsis thaliana At2g03870 gene, complete cds

CTCTCAACGAGCAAATCTAGGGCACATTCTTCCGCTCCTCATCACTTCCATTGAAAGTTCCTGGGGCGTTTAAT
TTTACGGAGGAACTGAGAAAACGATTGCGCGATGTCTGGAAGAAAAGAACTGTTCTGGATTGGCTAAGTT
TGTAGACAAAGGCGTCCAAGTGAAGCTTACTGGCGGTAGACAAGTTACTGGAACGCTCAAAGGATATGATCA
ATTGCTAAACCTTGTGCTGGATGAAGCTATAGAGTTTTTAAGAGATCCTGATGATCCATTGAAGACAACAGAT
CAAACCAGGCCTTGGCCTAATTGTGTGCAGGGGAACTGCTGTGATGCTGGTGTCTCCAGTTGATGGAACAG
ACGAGATTGCTAACCCCTTCATCCAGCCCGATGGTGCATAGATGTAACCTTTTTTTTTTTCTTTGTTAACTCTAAT
TTCCCCATTCTGTATTTGAATATATCAAGTTTCGGTATTTACTTTGTGATTCTCCCTCTTCTCTTCTCTAT
CGAACCATTAAAGTTTCAATGCTCCTACATACATGGAGCACTTATCCATGTGAAGTAAATGGTGAAATTATTGT
TATGCTTTTGAATCTTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4649 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

AGAAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCGCACAAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGTGGGCGCG
GAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGGTAATTTACATACAGGTGCT
GCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTCGTGAGATGTTTGGTCAAGTCTATAACGAGCGAAACCCTCGTTTTGTGTT
GCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGCAACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGCCACCGAG
CGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAGCGAATATCACTTTGCGGGTACTGTCATGAACCGCTCCGTGGG
GTCGAGCGAGTTCCTCAGCAAAGTGTGAACGTGAACTTCTTTTCTTTTCGCCAGGTTTCATTGATTTGTTGT
GGATTGGATGATGGAAAAACCCAGCAAGCCGCTTGACCTTTCATACGAGGTCAAGGGTCAAAGAATTTGAGT

TGTGAAAAGGTTGGAAGATCTGGCCAAAGAAGGTGATAGCCCTGTAGATTCGTTCCCATGGTTCGATCCTTCC
CAGTCAAACGCGGCGTGTTCTGAATTCTGATCGCTTTTACGCGAGCCCTTTTCAACAAA

>trans_s_4650 AY019775|*Oryza sativa* microsatellite MRG2100 containing (AT)X51, genomic
sequence

CATTTTTTGCAAGCTTTCTTTGCTTGTTTACTGTTTTGGGTCTCCTTAATTTGATGGGAGACTTCCTCTTTGATG
GCCATGGCTCCCTAAGAAATACAATTACCAAGTCTCAGTTAAGATTTGCCTGTCTTTGTACTCCCACTTGCTCTAC
CTAATGGTTTTGTCAAGCTGAATGTTCTATAATTAGATGTTTTAGCTTACAGATTCATTTCTTCAATGCATCTGC
CTTTAAGCTTTTGATATATATATACCAAGTCTTTTATCTCTGTTGTGTTTTGTAATAGTCTTACTTGGTTTTTCAT
CATTCCGTAATAATGTCGTTGTTCTTGTTGCGTCGCTGTCTTTCGTGTTTGTGTCATATGTTATGTTTTGCTTCCA
GTCGATGTTAAATGTCGATATCTGTTGAATCGTGAGCTTCGGCATTGGTATTCTGTTTGTGCGTCAACCTATG
TATAATGGTTGTATTTTTTCGGAAGCCAATAGTCGTTTACGGTTAATATGTGTACCCTGTAACCTATGTGTTTA
CTGAATAAATGACAAGAGATCTTCTCTTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4651 CP000587|*Ostreococcus lucimarinus* CCE9901 chromosome 7, complete sequence

AATACTTAAGACTTCAAAAGTGTAATTAGGATAGCGGGGAAACGTTAGTCTAGCTTAGCTACCTCATTTTATA
CAGCACTTCTTTTCTTTTATTTTCTACCATTCATTTCCCAAACCCCTCTCTCCCGATTTCTCTCAATTAATAAT
CAACCGTCGTCCAAAATGGCCGCCGCCGCGTTGCCGGAGCTCCTCGCTGGATTCCGAAACGCGGCCAAGTCC
TCCGCCGTGTTCTTAAAAAGCTGTTCTTCTCTGTATTTGTTCCGTCGATCGTTGGAGTTCTTCTCCGCCCATCTC
CTCTCGCGTTTTCTCGAAATATTTAACACTTATCTCACTCTTTGAACAGATGGTTTCGGTTTCGAATTTTCGT
TACACGGTTGAAGCGCGTGCGATCGGAGATGAGATTAGGCTCTCTGCCTTCTGCGATTCTCTGACTCTTAATCC
CTAATTCATATATTTTTTTTATTTTGTTAATTATTTGAAATTGGTTGCTTCTTAGTTTGTGATTGTGATG
TTGAAGTTCAGTTCATTGATTAAGTAAAAAGTATATGTATGGCGATTAGTTTATTCGGAATTCAGTGTGTTGAT
TGAAGTGGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4652 FJ708729|*Arabidopsis thaliana* leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

CGTTCATAAATCTAAAGCCAACCAACATCCTCCTAGACGAAACTTCAACCCAAAGATCTCCGATTACGGGC
TCGTAAGACTCCTAACAAAGCTTGACAAGCACGTCGTGAACAACAGATTCCAAAGTGCATTGGGGTACGTCGC
ACCAGAACTAGCATGCCAGAGCATAAGGGTGAATGAGAAATGCGACGTACACGGTTTCGGGGTGTGATTCT
AGAGATCGTGACAGGACGAAGGCCAGTGGAGTATGGAGAAGACAATGTGGTTATATTGACAGACCATGTGA
GGTATTTGCTTGAGAGAGGGAATGTGTTGGATTGTGTTGATCCAAGTATGACTCAATATTCAGAAGATGAAGT
TGTGCCTATCCTCAAATTGGCTTTGGTTGCACTTCTCAAATCCCTTCAAGTAGGCCTTCATGGCTGAAGTTGT
GCAGATTCTTCAAGTTATCAAGGCTCCACTTCCTCAAAGAATACAAGGATTTTGAGACAACCTCTCAATTTCAAT
TCTATTTTACCTTGCTTTCATTCTCTTTAATCTGTTATTATAATGGATTGTTCTTAGTAGTTAGTTTTTTTCATTC
TTTGTGTTCTACATTTTAGAGGATGATGTGAATTAACCTAATGATTCTGTA

>trans_s_4653 AF052058|*Vigna unguiculata* ferritin subunit cowpea2 precursor, mRNA, nuclear
gene encoding chloroplast protein, complete cds

CTGAGGTACATATGAAATAGGAACTGTCTTATATATAGCCTATATCGAGATGTCACACATCAGGTCGACAAAT
TCAAAGGCCAAAATAAGAGTAAGACACCATGTACATTAGTAACCCCATGACGGAGAGCACCTAAATACAGAC
TCTTACCAACAGCCTCAACATTCTTCTCCTTTGGAACTTTGAAGTACATGGAGACTTCGGAGGTGGCTTACA
CTGGAGACTCGTTAGCGTAGACCTCAGTAACTGATCCCCAACAAATGGACCTCAACCTTCTACGAATTCAGGG

>trans_s_4654 Z11512|*L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

>trans_s_4655 EF416218|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 045BT44M11-462.0 genomic sequence

>trans_s_4656 GQ200734|Gossypium hirsutum cultivar Xu-142 cellulose synthase catalytic subunit (cesA7) mRNA, partial cds

>trans s 4657 NM 202906|Arabidopsis thaliana SNF7.1 (SNF7.1) mRNA, complete cds

ACTTGAAGAGAAAGGGAAGCTCCAAATCTTCGACCTCCGTTTTCTGGAGCGTCTGACGAACCCTTTCTACAATTC
TACTTCAAATTTTTTCATTGAATCTTTCGATTCATTCTCTGTTTTCTGAATTCGTTTCGGGTTCTCATCTTTCTGTT

TTCAATCTCTCTGGTTTCTCGACTTTTGGTACACATTGATTACTTTTTCTTTTCTTTTCATTCATGTTGAATCCA
AGCGTTTGAATCTGATTTTGTTGTTGTTGTAGAAGATCGAGAGAGGATTCTTGTTGCTTTGTATCAACAATGT
TTAACAGGCTTTTGGTAAACCTAAACAAGAAGCCAATGCTTTGGCTACGTTGGAGAAGCTAAGCGAGGTGC
GGCCTCATTTTGTGATTTTATTTTTTAGATTCAATTCTTTTGTGGAAACGATATTTTCTGTGTGTCGTTGTTTT
AAGCTCTAGTTCTACTTCAACAATTTGATGTACGTTGACTTCTCGATCATTCATTTTTTCCAAATGGTAGTGTT
TAGGACGTCGGTATCATTGGTTTTACGTCCCCTTGGCCGTGTATTAGTGTTTATTTGGTTTTACTTGGTCAAG
TGGCGGCCAAAAA

>trans_s_4658 NM_001036313|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S25 (RPS25B)
(AT2G21580) mRNA, complete cds

CGAATTCGTTCCGGCTTCCTCTCTTCTCTTCTGCATCTTCATCAGCACATCCAACTCCGGCGGTGCAACTTCGAT
TCCATGGCGCCAAAGAAGGATAAGGCTCCTCCACCGTCTTCCAAGCCTGCCAAATCTGGCGGAGGAAAGCAG
AAGAAGAAGAAGTGGAGTAAGGGAAAGCAAAGGAGAAGGTCAACAACATGGTTTTGTTTCGATCAAGGAAC
TTATGACAAGCTTCTTGTTGAAGTTCCCAAGTACAAGCTTGTCACCTTCAATCTGTCCGATAGGTTAAGGAT
CAACGGATCTCTTGCAAGAAGAGCAATCAAGGATTTGATGGCCAGAGGTCTCATCAGAATGGTGTCTGCTCAT
GCCAGCCAGGAGATCTACACAAGGGCTACCAATACCTAATTTCCCTTTTCAATTTGTCTTTGAGTTTGCCATGAAT
TAGCTTCTTTTGGTTTCAAAGTCTCAATTCACATGGATGCTATAATTTTGCAATTTTGACGTGATATCTTTCTTG
TTGATCACTATTTTATATTTATCAAGTTTAGACTTCCGAAAATTTTGTTCAAATTCACATCTTTAAAGGCTTAAT
TTCATCTTTGTTGTGCACAAAAA

>trans_s_4659 NM_001064958|Oryza sativa Japonica Group Os06g0691600 (Os06g0691600)
mRNA, complete cds

CTTGCACTACTCATATCCCAACTCATACAAACCATGGCTCAAGCCGGATCTCTCTTGGTCGACACCGAGG
CTCTCAGCCACATCTTCAACCTAATAGAAGCGTTTAGGGCATTGATGCGGACAACGACGGGTTGATCTCGTC
AGCTGAGGTTGGGGGGATCGTGGGCTCGCTCGGGTACAACCTGAGTGAGGAAGACGTGAAGATGATGATGG
AGGAAGGTGACGCCGACAAAGATGGGTTGCTAAGCATGGGGGAGTTCTTAGAGATGAATGCAAGAATATG
GAAGTTGGGGAGCTGGGGAGCTATTTGAAGATAGCTCTAGAGGCTCTAAAGGCAGATGGGGATGATCTTGT
GAGTGGGGAAGAGCTTTATGATGTGTTTGTGAATTTAGGGTTGGATGTTTCACTTGAGGATTCCATGGCTATT
GTGGCTTCTTTGGATGGGGATGGAGATGGAGCTATGTTTCTCATGATTTTAACTTATTGTTAATTCCTTCAC
TAAGTACTTCACTTTTAATTAGCCCTTTATTTATCTTGCCTTTCATTAGTTATGTATTTGACTTTTACTTCTCTAC
GTATCAATAAATTATTCTACTTTCGCAAAAAA

>trans_s_4660 XM_002870957|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PWWP domain-containing protein,
mRNA

AGGCAGTAAATGAGGACATGATTTCACTCCAATATGCCCTTNGACAGATAAACTACCATGTACAACTAATTC
CAAGTATCTTTACTACCATGTCTATGAAGAAAGTATCAGCCAAGTCCTATTTATTTGCAAGTTAACTCTACCAAG
TTAAACTATCAATATGAGGTGAAAACATACATCACTTAAAGCGAAAGTAGTACATACTGGTTTCTCTTCAAGTT
GGCTGAGAAGGCTGCAATTCAAAACCTTAATCTTTAGGCATCAAGTAGCAGTTCAATCTCGAGATTCATTCTT
TTCTGCATCTCCTGGTCTGACGCAAAGAACTTTAGTTGGAGGCAAGAACTTGAGGCGGTAACCTAACAAGGG
CAGTCCCAAAAATGCTACATTTCCCGTATCGCTGAAAGCTGTTTCAGCATCAGAAGTTCTCTTGAAACTACT
TTAGCGCGTCTACTTTCTTCATAACTTCAGTCTTTGACTCGTACAAAGGCCCATATTTTCTAAATATATCATTCA
AATTTGTTTCTGAAGGGACAGAATCCAAGTCTGTAAAGGTTAAATCAGAGCTGTGGATAGGGATCCTCCAC
ACCATCTCTGATTCTGGTTCAACAGATTCAAGAGGCTCATCTTTATC

>trans_s_4661 AY193423|*Lactuca saligna* genotype PI491204 60S acidic ribosomal protein P3 gene, partial cds

TCCACTCCATACTCACTCCCTAATTCTCTTCAACCCAAATCTCCATTCCAACATCGAACCAAACAATGGGAGTTT
TCACCTTCGTCTGTCTGGAGCTCCGGTGGCAAGTGGACCGCCAATCAGTATTCCGGTGACCTTGAAGGCTCCGC
CGACTCCACCTACGAGCTCCAGAGGAACTCGTTCAATCTGCTCTCTCCGTCGATTCTCCGGTGGCGTTCAGT
CCTCTTTCTCCTTCATTACTCCTACCTCCGCCGTTTTCCAGGTGATTGTTGGCGGTGGAGGTGGTGGTGGTTTCA
TAGGCGGTGGGGCTGCAGCTGCCCTGCTGGAGGTGATGCTCCAGCTGCTGCAGAAGCCCCAGCTGAGAAG
AAGGAAGAGGTGAAGGAAGAGAGTGATGATGAAGACCTTGGCCTATCACTTTTTGATTAGTTTGGTATTAATT
ACTTGTTATTGTTTTATCAAACCTCAGAGTTTGTAGCACTCAGGTTTTCTTTCTGGAAATTACGTCTATGCATT
TACTTGAATTTGCAAGTTCAGTTGATGTTCTTGTTTAAGGACGTAAATTTTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4662 XM_002331297|*Populus trichocarpa* cytochrome P450 (CYP72A43), mRNA

CTTGCTTGGACGATGGTTCTACTTGGTCGATACTCAGAGTGGCAAGATCGAGCAAGAGCAGAAGTCTTGGAG
GTTTTTGGCGATAACAAGAAATTGGATTTCGATGGTCTCAGTCGTCTAAGAGTAGTAAGTATGATACTAAATG
AAGTTCTCAGGCTGTACCCTCCAGTTGGAATGTTAGCTCGAGAGGTTTACAAGGAAACAAAGTTGGGGAATTT
GACATTACCCAGTGGGGTATCAATAGGAATACCAATCTTAAGCATGCACCAAATCCCAAATATGGGGGGA
AGATGTACTTGAGTTCAACCCAGAAAGATTTTCGGAAGGAATTTCCAAAGTAACAAAGAATCAAGTATGCTTT
ATTCCTTTTGGATGGGGTCTCTGATTTGCATCGGTCAAACTTTGCAATGATTGAAGCCAAAATAGCATTATC
GATGATTTTGCAACAATTCTCCTTTACACTTTCTCCAATTATACTCATGCTCCTATCACAAATATCACTATTCAG
CCACAACATGGAGCTCATCTCATCTTCGTAACTATAATAACTTTTGGTTTTTATCCTTTTTTCTTAAGCTAT
ATAAATAGCTTTTTATTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4663 AB032245|*Cucumis sativus* psbP mRNA for 23kDa polypeptide of the oxygen-
evolving complex of photosystem II, complete cds

CATTTGCAAGGCACAAGCAGGAGACAAGAGGTGGTTTAAAGGAGCAAGGAAGTTTGTGGAGGGTGCAGCTA
GTTCTTTCAGTGTTGCTTAAGAAGGGAGAAAGCAGTGTTGTTTGATTAGTAATGTGAGAGAGAGAGAGAGAG
AGAGAGAGAGGTGTTTGTTGTATATTTTGGAGAACATTACCTTAACCAATGAAAGGGATTGTCAATGTGTTGT
GTTGAGATGTTTCATGGCCTTTATTTTTTGGTTCTCCATAAAATTATTCAGGGTGGGTGAATGAAGCTTTTA
GAAGGAAGGAGATATTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTTCTACCCCG
CCCCCGGGGGGGGGCCCCCGCCCCCAATCCCCCAAGGGGGGCTTTAACCCCCCCCCCTCGTACCTTTTT
TTCCACCCCGGGGGGGGGGAAAACCCCGTTCCCCCTATTATTCCTCCTGGCCCCCCC

>trans_s_4664 AB480043|*Cedrus deodara* chloroplast DNA, complete sequence

TTCACAATACAGGCTTTCAATTTTTACTGACGGTGGTTTCTAGCTGGCATGCTGTTTATTCCTGCATATCAAGTT
TACAGTTAGTGAGTGGACATTTTGCTATATAATTGTCCATTGTACCTACCTCCATTTTATGGGGACCGAGGATT
TCATTGCATTGCCAGCTTCCGGAGATTCTGGAAATGAAACGGAGAGTAATGAATCTCTTACTTTTAATGAAACA
AGAGAAGCTTATTCTCAATCAAGTGTGTTTGAAGTGCAAGGATGATGATGCAAGCATAGAGAAGGCTGAGCTT
GTAGATGATGTACAGTTGGAAGATATGCATTGCGTACCCCAATCTGACCTTGTTGATGAAACACAGCGTTCTG
ATTGAGATATGGAAATTGAGGATCTGAATAACCTTCAGATTTTAGTAAGACTAGAAAGTAGAAGTGAGAATAG
TGAAATACTGAGCAAAGCTGAGGACCTGCCAGTCAACTCTGCAGATGGGAATATACTACCAAGCAATGAGCC

CTTGCAGCAGAATGAGCTTCATACAAGATATGAAGATGTTTGTTCATGTTGAAAGCCAAAATTTTCAGAAGGAC
TTGGTCGATAATTCATCCTTCTCGAAAACCTGGTGGTCAATTGACTGTAATGA

>trans_s_4665 CP001332|Micromonas sp. RCC299 chromosome 14, complete sequence

AATATATATCTAATGTAATTGTAAAGGAAACAGTAATCTAGTTTTGTCCACTGCCACCTTGACGGCTGCCGGC
TGGTGCTGCTTGTGATGCTCTGTTTGTTCACAAATTCCTCTGCTCTGTTTTCCTTTGTAATTCTATGTTGAAT
TGAATCTATGTTAGGGTATGGGAAGTCAATTAATGATCTGTACTTTTCTACCGCCGTAGCCAGATTGAAGAG
AGGAGGAGTACGGGGGTGGTAGCCACTGGCGGATCTAGCATAGGCCCGGGGGGCTCGAGCCCCCTCTCAA
CTTTATTGCTATTATATAATATATATAAAAAATGCTACTTAATTTCAATATTTACTATTAGCTTAGTGGTTGCTGT
GATTGTCAGCCCCCTTCACCTAGGTTCAAATCTTACCTATGTAATTTATTTTTCATATTTTCTTCCAGCCCCC
CGTCAATATATTTTCTAGATCCGCCACTGGTGGTAGCGGCGGGGACGGTGGTGGCCGGTTTGGAACTTTCTG
GCTTTCTGCTTTTCAATTAGGCCTTGTAATTTGTGTCTATTTCTTTAATCATTTTTTCTAATTAATAACATTT
TGCTCTTCTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4666 AF385736|Arabidopsis thaliana AT5g54940/MBG8_21 mRNA, complete cds

CTCCTCTCATCTCGCTCAGCGCTCTCGATTCTTGGTTGTTGCGTTTCGTGCAAGTTTCCATCCAAACAAGGTTCA
TGGTTGAATTAGATTTCCAGATCCCATCTGCGTTTGATCCATTTGCCGACGCCAAAGATTCCGGATGCCCCCGGA
ACGAAAGAGTATGTTTCATATTCGCGTCCAGCAAAGGAACGGCAAGAAGTGCTTGACAACAGTTCAAGGTCTG
AAAAAGAGTTTCAAGTACGAGAAGATTCTCAAAGACGTGAAGAAGGAATTCTGCTGTAATGGTAACGTTGTG
CAAGACAAAGAATTGGGGAAGATAATTCAACTTCAGGGTGATCAACGCAAGAACGTCTCTCAGTTTCTTGTTT
AGGCTGGTCTTGTCAGAAAGATCAGATCAAGATCCATGGATTTTAAGCAACCTTCTGCTTGATGTTTTATCTT
ATGCTGTTGAATTGGAAGTATTGAACGAGTCTTGATGTTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCAATGGATT
ATATGTTGGTGTGTGATGATGGGAACCTACTATCAATGAAGCGTTTGATTTTGAGTATTCGGAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4667 EU714070|Thellungiella halophila ST19 mRNA, partial cds

ATCGCATGAAGAGAAAGAAAGACAAAACCAAATCCGAAAGCCAAATGTCTCAATAGGAACCTCAAAGTAAAA
TGAGAAGAGAAACAAACCGAGAGAGAGAATTGAATCGCCGATTAGTTCACGAACATGCTCGAATTGGCTACA
CCGCAAAATTTCCCTTACATTATTTCTGACGCCATTTGAGATCTGTTTCTTATCCTTCTATTTTCTTTTGTGAA
TCAACTAAAATCTTCAGTAACCAATCGCCGGCTCTTCAGTTACCCGCTGTTGGCACCTCAGAGCTTTGAATCAA
GTTACTTGACGTATCGTAGGAAGAGCTTTGTGACACTTGTAAGCGAGTCGGAGAGAGTCACCATACGAAG
TGCTTGGTATTTCTCAACCGCAACTCAAATGAAATCAAAGGGCTTATCGGAACTGGCTCTGAAGTATCAC
CCCGATGTTAATAAAGAGCCTAATGCACAGGAGAAATTTATGCGTATTAACATGCATACAACACATTGCTGA
ATTCTGAATCTCGAAGGAAATATGATTATGGGAATCATGGATCTGATTTTTCATATTCATCTGCCCCACGTAGC
CAAAATAGAAACACCCAAGATGAAGAAACACTTACGGACTCGGGGACTT

>trans_s_4668 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete sequence

TTCTTGATTATGTAAAGAATTCACCTAATGCTCGAGATAGGCGATCTACCCGAAAAGGAAGCCTTATTT
CAGTTCAAAGATGGCTTGAAAGATTGGGCAAAGATCGAGCTGGACCGTCGTAATGTCCAGACCTTGACGAC
GCTATAGCTGCAGCAGAGACGCTTGTGCACTATTCTGCCAATCGAAGGGGAAGAAGCCTGGTCCAGAGAAA
TATGGAGGAAAACCGGACAAGACCAAGAATTTTGGTCGCAAGGACGGGGGAAAAGTGAAGACGTTCCAGTG
GAAGAATGGCAAGAATGATGGTGACATCGAGGTGAGTCCTTAACCCTCCTAAACCTTGCTTTATCTGTAAA
GGACCGCATTGGACTAGAGATTGTCAAATCGAAAGGCATTAAATGCCCTCGTTGCAAAGTTTCAAGAGATAA

AGCAAGTGAAGATGCACCAGGACCCCAAATTGGGTCAATGCAGCAAATAGGGGTAATGAAGAAGGAGACT
ACCGCCGCGGAACATAAAGGTCTCTATATGGCAGCATTGAATTGAAGGAAAAGAGGCCACGGCAATGTTT
GATACAGGAGCATCCCATAAATTTATGGATGTTCAGGAAGCTAAGAGGTTAGGCCTCAAG

>trans_s_4669 XM_002882529|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata KH domain-containing protein,
mRNA

TACTACAGGTTGTCGTGGATACATTCGAGGGAAAGGGTCAATAAAGGATCCAGACAAGGAAGAAAAATTACG
GGGACGACCTGGCTATGAGCACTTGAATGAACCGCTGCACATCTTGATTGAGGCAGATTGCGCAGCCAATGTT
GTTGATATACGGCTCAGACAGGCACAAGAAATTATAGAAGAACTGCTCAAACCTGTGGATGAGAGTCATGAT
TACATTAAGAGGCAGCAGTTACGTGAACTCGCAATGCTAAATTCAAGTTTCAGAGAAGAGAGTCCAGGACCT
GGTGGCAGCGTCTCTCTTTCAACTCAAGTGGTATGAAACGTGCCAAAACAGGTCGGTAGGTGCTCAATATCA
TTCCGTACCATAAACAATTTCTACCCAGTCCAAATTTGGTCACTTATATACTGTGAAGTGAATCATGACCGAC
CGTGTGACATAGCTACGAGAAAGGGGAGGCTAACTTCAGTTCCTGGCGAGCCTTCTGTTGGCTTTTTCTTTGT
GTTCCCTTTAATATTCTTGACAGATAGACTGGAAAAAAGTTGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAGG
GGGTGAAAAGGAAAAAAATTGTTAGTAATAGTAGGGATGGTTTTTCATGTTGG

>trans_s_4670 NM_001187092|Oryza sativa Japonica Group Os04g0521200 (Os04g0521200)
mRNA, complete cds

ACTTTCATTATTCGTTGTTTCTTCTAATCGAGACAGGAAGATGCATCTATGGCCTTCAACAAGGATCAGAGACT
CTTTCAAGCATGCTTACATCAAAAAGTTGGAATGGAACCTCCACAGAATGAAAATCCAAAAGCATCAGCACCA
ATCTTCTAGCAAACAGAACTTGTGGATAAAGAAAACGTTTCTGATGCTGCTGACCGCCAACTTCACACCGTT
CTCCTTCAGTTTCTTTTGGTCAACGAGTACTTGAATTCTTCTCAGAACTCCTTCATCTTCTCTCTGTTGTTACTG
CTGCTATTGCTGCGGAGCTTGCCTCTCGGACCAAGAAGAACAGTAATATTGACGAAGAATAGAAGCTTGCAAT
TGATAAACATAGCTGATTGATGCAGATGATATTTACATTATGTGTACTGTATAGTACTCTTAGCCATTGACAGG
TAATTCTAGCATTATGAACACTATATTGATCTCCTTTCTTTTCATTAGGTTGAAGATATTGTTAAACCGATAACC
AAGGAATAGTATATACAGTCAACTTGGATCTAGAAGCTGCCTACATATCTCAGTTCGTCTAGACACGCTCTAAA
AATTAAAGCTTCTCTTAAAAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4671 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GATCAATCTCTGGTTGCAGAACCTCGATTGCGTTGGATCCGCTCAAGGACCTACTGGTTTAGGTAAATATCTAA
TGCGTTCTCCGACTGGAGAAGTCATTTTGGGGGAGAGACTATGCGTTTTTGGGATCTGCGTGCTCCTTGGTT
AGAACCACTAAGGGGTCCTAATGGTTTGGACTTGAGTAGACTGAAAAAAGACATCCAACCTTGGCAAGAACG
ACGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCTCCTTTAGGTTCTTTAAATTCCGTGGGGGGCGTAGCTACCGAACGG
CCACGTCAGTTAATACTCTCCTAGAAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATTTTGTCTAGGATTCTTCCTATTCTGA
GGTCAGGGCGTTACGTACTTCCTTAGATGTACTAGTAATACTTCGGGTCAAGGAAGGCCAGCGTGATTTTGA
ACCTGTTCTGTTTCTGACTCCTCTTAAGTACGAGACAGGCGATCTAATGCTTGAAGTCAAATCAATTGGATTCCA
CCATACATATCAGGTTGGACAGATCGGGTTATATTTTAAAGTCTCCTTTTCTTTCTTCTATTCTATCTAATC
TTTTTTCTGTTTTGGCTCGGCTCTCTCAAGATTCGTAATATCAGGA

>trans_s_4672 AY112340|Zea mays CL23674_1 mRNA sequence

ATCCCAACTTCACTCTCCATCAATGGCAGCCTGTACTTCACTCCTCCTTCTCCCTAATGCTCACTTCTGCCTCT
TCTTCTGTACCTCCCCCAGGACCTCGCTTCTCCATCGTCTCTTTCAAGGGCAAACCACAAATCCCACCATC
AAATCCTTCTCTTCTTAACCTTCTGTGCAGATCTAGGAGATCAGCCGATTGGGTATTTCTTAACCTTCAGAGA
CGAGCGAGGCAGCATGTGATCGTTGCAGCTCTGCCGCTGAAGCGAATGTCGCGGAGGTGGAAGCCGAGGA

AGAGGAAGCGGTGGCCGCGGCGGCCACGGCTACTGCGCCTAAACCCAAGAAGGGGAAAGCCGCCTTGCCCC
TTAAAGAGATAGGAGGAGATCAAAGAGATTCTTGAAATTCAAAAAGTGGGGAAAAACAAAAAGAGTAT
GACCTCACGACAGCAATATCTCTGCTCAAGGAAATGAGTAGCACAAAGTTTGTAGAATCAGCTGAAGCTCATT
TCCGGCTCAACATTGATCCGAAATACAATGATCAACAGCTGAGAGCAACTGTAAATTTGCCTAAAGGAACTGG
CCAAACTGTAAAAGTAGCTGTTCTTACTCAAGGTGAGAGATTTCGATGAAGC

>trans_s_4673 NM_120019|Arabidopsis thaliana AFTP6 (FARNESYLATED PROTEIN 6); metal ion
binding (AFTP6) mRNA, complete cds

ATTTCCATTGCAAAGTGGTAAAAAAGATCTCCAAATATACAAAGGAAAATGGGAGTTTTGGATCATTTGTC
TGATTATTTTGATTGCTCTTCTCATGGCTCTAAGCACAAAGAAACGCAAGCAATTGCAGACGGTGGAGCTAAAA
ATTCGAATAGACTGCGAAGGATGTGAGAGGAAAGTGAAGAGAGCGTTGGAAGGAATGAAGGGAGTGAAGC
AAGTGGACGTCGACCGGAAATCCAACAAAGCCACCGTAGTAGGCTACGTCGAGCCATCCAAAGTGGTGGCGC
GTGTAGCTCACCGCACGGGGAAGAAAGCCGAGCTGTGGCCCTACGTTCCCTACGACGTGGTCGCACATCCGT
ACGCGCCGGGAGTCTACGACAAGAAAGCTCCGGCTGGGTACGTGCGAAAAGCGGATGACCCAAACGTGTAC
CAACTGGCACGTGCGAGCTCAACTGAAGTTCGTTATACGACGGCGTTTAGTGACGAAAATCCCGCGGCTTG
TTGTCATGTAACGGTTGTCCCTCACTTTGTAAATCCGCTGTAAAAATAAGGCATCATTCATAATAATTTCTTT
TGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4674 BT024532|Arabidopsis thaliana At4g35905 mRNA, complete cds

CTCTCGACTTTCTTCCAATTCGTTCTAAAATGGTGAGAATAAGCAAAGCCCTTCTGAAAGAAGCCAGCTCCGG
TTTACCAACACGCTCTCCCAAATCCTTGCTGCCCCCTCTCAAACAACCTCTAAGGTATTGTGAGGCGTCGAA
TTCTCTTATCAGCGATACGATTGGTGTCTTTCCCTATAAGGGACGGAATTCCTTGTTTGGTGCCGAAGGAAG
GAAGAATAATCGAAAATGATGATGCATTGAAAGGTGAGGATACTGTTGAGATTACTCGAGAAAAATGAGCGC
TGTTTTGTTTGGGGGTGGAAGACAATTTTTTATTTCTTGAGCTCAATAATGAGAAGAGATGTCAACACAACGC
CACAACACTTCACACTTGTATTTTTAAGTTTCCACTTTAGAATGAATTGAATGGTTTCATTTTCTCAAAGTGCCTG
TTGTTGCCAATAATAGTCAGATTAGACCACTTGTCAAAATTCCTTCTTAGGGTGATTTGAAATTGTTAAACAA
GAGAATATCCTCGAAAATTTCTGTTCAAACTTTTGGGCTTGCTGCTGAACTATCTGATGGTAATTTGAAAAGT
TGCTGGTTTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4675 AY111259|Zea mays CL6910_1 mRNA sequence

AATGGAAATTATTACTGGAGGGCTAATGGAGATCAGAAAACAAATCCAAGTTGTTAATGAGGTTTATAAGCTC
CACAATCTTCTGAATTTTACAAGGTTAATTACATTAAGTATTTTTTCCCTTTTCATCTTTATTCAATTATCGAG
GAAGATGATCTCCTAGAGTACTCTGTTTTTTTAGGAAGCAAGACCGCATATATCTCTTGCTGGGCATTAGGT
GACGTTAGTCAAATATCGAGTCAAGCAGTTCATAATGAATTAAGGTTCCGAGTTAAGGAACCATTTAAGA
GATGTATTTTACCACCAAATTCATGGCATCGAATGTAAGATTGGTAAAAAATGTATAAAATATGTAAATTT
GCTGACGAATGAAAAATGATTGTGTGAGACATGTTCTACAGTCTATGCCCATGAAATCTTTTATGTATTTT
AACTTTAGTAATTAATATCTTACTATAGGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4676 NM_001069620|Oryza sativa Japonica Group Os09g0392000 (Os09g0392000)
mRNA, complete cds

CCTCTCTTAGTAGATGTCTTACCCCTGTTTTCCAACACCATTTGGGGGCAAAATGCCAATTTAGCTTTCCTTAA
GAAGCATATGGGTGCTACATTTGAAAAGCGATCCCAGCCATGGAAAGCAACTATCAACCCAGATGATGTTTAT

>trans_s_4677 AB525662|Jatropha curcas DNA, microsatellite marker JGAA47

>trans_s_4678 FJ185424|Corylus avellana isolate cav.tr.RNBSD.118 NBS-containing resistance-like protein gene, partial cds

>trans s 4679 BT010158|Arabidopsis thaliana At5g58375 mRNA, complete cds

>trans_s_4680 AF325006|Arabidopsis thaliana AT5g28750 (AT5g28750/T32B20_40) mRNA, complete cds

>trans_s_4681 HM124891|Cucumis sativus isolate Csa006756 cultivar 9110Gt TIR-NBS-LRR class
resistance protein gene, complete cds

>trans s 4682 AY660751|Populus tomentosa Gip1-like protein mRNA, complete cds

>trans_s_4683 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

GTGCGAATCAACGGTTCCTCTCGTACCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTACA
GATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTTCTGGGTCGTCTCAACCTT
GCGGCAAAATCCCgATTtTTGGGGGCGCCAGCGTCCCCTACATCCAAAGGATTTACTTGTTACTAATAGAGTCT
AGCCTATGTTCTTCTTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGAA
TGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTGAAATAGATAAAACATAATCTGTATTATGGCATATATATCACCTATTCTA
ATGGATCTTACGGAGCCTGGTCATGCACGACATGGTCAAGTCTGATCATGGAAAAGATTCTCTTCAAGCGAAC
CAGCCTACCCTCTGTATGGAGCTTCGCGGTGGTTGGAATAAAGACACATTTTGTTGTGAATCCCAATGTGGC
AGATAAAAAGACATATATCTACACGGTCCAATCCCgCTGGTTTTTTTGTtACTCCCATAAATCCATTTTCTCTCG
AAGAATTCCCTTCAACTCTTATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGT

>trans_s_4684 FJ362594|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L31 (RPL31C) mRNA, complete cds

GAAGAAGCCGACTGCAGATATGGTTGAGAAAACGAAGGGAAGGAAGGAGGAGGTGGTTAGCAGAGAGTAC
ACCATCAATCTACACAAGCGTTTGCATGGCTGTACCTTCAAGAGAGGGGCTCCCAAGGCCATCAAAGAGATAA
GGAAGTTTGCCGAGAAAGCAATGGGAACAAAGGATGTCAGAGTGGACGTGAAACTGAACAAGCATATTTGG
AGCAGAGGAATTCGAAGTGTCCAAGGAGAGCCGAGACCAGTATTCGACGCAAGAGGAACGACGATGAAGA
TGCAAAGGAAGAACTGTATTCTTGTACTGTTGCAGAAATTCCAGCAGAAGGTTTGAAAGGATTAGGCACT
AAGGTCATTGATGAAGAAGATTGATCTATCACACATATTATCTGTTATTTCCAACCTTTTTGGCAAAAATTTTGG
TGCAAGACTTGTGTTGAGTCAGAGTTATTCTTCATTGTCCTTGCTTTGGTTCATTGTTTATTTTACTTTGAAATCT
TAGCTGAAGCAGCGTTTTGTTAGTTATAATAAGAACTTGCAATGCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4685 NM_180284|Arabidopsis thaliana ARC5 (ACCUMULATION AND REPLICATION OF
CHLOROPLAST 5); GTP binding / GTPase (ARC5) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTNGCCTGCTAAAACTCTTGTTGATATTCACCTCTTCTATT
GTATAAAATGATGCTTGGCTACAACAAAATAAGATATCAGTATGTTTAAACACATTACCTATTATACATGCTA
CTCTCATATCAGAAACATATCAGAAGTGGCACAGTTAATCTCAACAGATGATTTCTTGATCGTCCTTTTCCCTT
TCGCTTCATTTTCGTATCACCTTCTCCAGTTTTTCATTTTCAGGCTTGATTGTTGCAGTATGAGCTGCTGATGTACC
ACTCTAACTTCTCCTTGAGCCTCTTAATCCTTCTCAGTTCAACCTCAGCATCGCGCTTCGCTGGCTCAAGGAG
TGTACCAAATTCGTGATATCGAAAACATTATCCAGTTCATTTTCAAAGCAGAGTCTAAGTCTCGCGTAGAAG
TGCTGGCAACTTGTCCACTACTGGCATTAGAAGAAAACAGTTGAACCTTAGTTCTGCAGAAGCCAAGAAATAT
TCTCTAATTCCATGGAATATCTGCTGTACTAGAGCATGAACAATTCTTCAGATGAAGGAGCAAGTCTTCTGTT
CCAAAGCGTGCAATCTAAGAGATCAACTAGCCTT

>trans_s_4686 CT029647|Poplar cDNA sequences

CAAGGAATCCTTTGAAAATGACGAGGAGAAGGTTGGAGCAGACATTGTTAAGAGAGCATTAAAGCTATCCCTT
CAAGCTGATTGCAAAGAATGCTGGTGTTAACGGTAGTGTCTGAGTGAAGAAGGTGTTATCCAGTGACAATA
TCGATATGGGTACAATGCTGCAACTGGGAATATGAAGACTTGATGGCTGCTGGAATCATCGACCCAACCAA
GGTGGTTAGATGCTGCTTAGAGCATGCAGCTTCAGTGGCAAAGACATTCTTGATGTCAGATTGTGTGGTGGTG
GAGATCAAGGAGCCTGAACCAGTTCTGCTGGTAATCCCATGGACAATTCTGGATATGGGTATTGATAAGAG
AGTTAGAAGTTAAGAGGAAGAGAGTAATAAGGAAGAGAGAGCCATTCCATGGTTGAAATCGAGGAGGAAGA
TGAGAAATAGAAATTCATGGGGTGAAAAAAAAAAGCCAATTTCTTCTTTATTTTGTAGATTAGCCACTTCT
TTGTACTAGAGAGATAGAGACCTTAGATGAGAAAATGTCAAAGCATTCAAAGAACATAAGAATGATTGAGA
GCATCCATCTTCTTTAGTAGAATTTTAATGATTGAGAGCATCTTCTTCCCTTTAA

>trans_s_4687 AF311223|Zea mays C2H2 zinc-finger protein (SE1A) precursor RNA, partial cds

TATCAAGACCTAGATGCGCCTGAGGATGAAGTCACTGTAATAGATTATAGAAGCTTGTAGATATTTGGCATCA
GCAAAGTTTAGAGGCCCGCTTGTGTTTCTAAGAAGGGGGGATGCAACTCCAAAACCTGGTACGAATTCGGCAT
GGTCACTGTTTGATATTCCTTCTTGTGCTGAGAAGAGGTTTGCTTTGTTTACCCCATAAAGTGAGAACTGAAC
TCTGAGTTGATCACATTCTGGATGTGGGCAAGTACAAATACCTTCATGAGAATTGTGCATTCATTTAACTTTAA
TTTTTCTTTTTCTTTTTGTCCACTCTGTATTTTGTAGTAAAGGCATTCAACCAGAAAAGCAAGAGATTTAACAAT
CGAAAAATTTCCAGTCTTTTGAATTGTAGAACTTAAATCTTCCGAAGTTAGGAGTGTGCATTCCCTTATTTAG
TTTTATATTTTTTTTGTCTACTATAGTCGATTTTGGTGAAAGCAAGAACTAGTAATAAAAATTGTGGATATTAA

ATCTTGTTTCATGGACCTTCTAACTATTGTAATGTTAGGATGCTATATTGTTATATTTTTAGAGAATATTCAAGT
CCCCATTTGATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4688 NM_180415|Arabidopsis thaliana AGG2 (G-PROTEIN GAMMA SUBUNIT 2) (AGG2)
mRNA, complete cds

ACGCAACGACAACAACAACAAGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAATTCCCATTGCTCTCTTCCATTTT
TCTCTTCTGCCACTCATGGCGGAAGCTGCTGTTCTATTCTCACCGGACACTCTCCTTATCCGCCCTTGACGCC
GTCGGAAAACATAGGTTGCTCGCTGAAATGAAGCGCCTCGAGCAAGAGGCTAGATTTCTAGAGGAGGAGCT
GGAGCAGCTTGAAAAATTAGACAAAGCATCGGCATCATGTAAAGAGTTATTGGGCAGTGAAAAATGAGATC
AGACCTCTACTTCCAGAGACTCTCGGCCCGTTAATCCAGTTTGGGATCAATGGTTCGAAGGCCCGAAAGAT
TCAAATCGATGCCATTGTCGATGCAGATGCTGGATTCTGTAACCATTTTGTGTTGATTATGTATACAATTTTCTGG
TTCCTACAAAATGCGAGGTCCTGATTGCCAAATGAATTTGAAAGAGCTCTATCATGTGATGATCTTTGGCAATC
TCAAGATTCACTCATTTCTTGTTAAAAGGGCTTTACATTAATGGATGTTTCATGTTGTGGTTTTCAAAAAACAATT
TTTATAGGGTTTTGTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4689 XM_002870228|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin family protein, mRNA

AGGATCCCTAAGCAGAGAAAAGAAAACAATGGCAACTCTTCATTTTGTTCCTTCCGCTTTCTCCCTACCAAAC
AAAAGCAACCCATCAAGCTTTCCTCGGTCAAACCCACTACTCACATAAGCTGCTCACGACGGCGCTTGGTGGT
CCGGTCGTACAAAGTAGTGATTGAGCACGAGGGGCGAGACCACCGAGCTTGAGGTGCGATCCCGACGAGAGCA
TATTGAGCAGTGCATTGGACAATGGCTTAGAAATTCCTCACGATTGCAAGCTTGGAGTTTGCATGACTTGCCTT
GCTCGCCTTGTGAGTGGCACCCTCGACCAAAGCGAAGGTATGTTGAGCGATGACGTCGTGGAACAAGGCTAT
TCGCTTCTGTGCGTGGCTTATCCTCGCTCAGATTGCCACATTAATAACCATCCCTGAGGAGGAATTGCTGGCACT
TCAATTAGCGACGGCTAATGACTAAAATCTGAGTACTTCTTCGGATGATTTGTAGATTTAATTCTTGTTTAGTT
TATAACTATATTGAAATCAATCTATCTGGGATGTTGTCTCTTTTGGCTGTTGTTTGGACATTTCCGTATAATGAT
AAATCTCTCGATTTGATTCCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4690 Z25862|S.tuberosum mRNA for T subunit of glycine decarboxylase multi-enzyme
complex

CTATCCCTTTCCTCGAGAAGCTTGTTGTTGCTGATGTTGCTGGGCTTGCTCCTGGAAGTGGAACTTACTGTCT
TTACCAATGAAAAGGGTGGAGCCATTGATTCTGAAACAACTCGAAGATGGTCCAGCCATAAGGCGTGTGCGA
TTCTTCTCTCAGGCCCCCTGCAAGAAGCCACAGTGAAATTCAGAATGAGGGTGGGAAAAACATTGGAGAA
GTCACCAGTGGAGGATTTAGCCCTTGTCTCAAGAAGAACATTGCCATGGGCTATGTGAAATCTGGATCTCACA
AGGCTGGCACCAAAGTTAAGATAATTGTCAGAGGAAAGGCTTACGATGGTGTGTTGCTACTAAAATGCCATTCGT
TCCAACAAAATATTACAAGCCAACATAATTCATGTCTACCTATGTTGTCGTGTCCTGTCAAGATTTTCTGATTT
CAAACCTTCTCTTCTGACCAAATTCTGTATTTCCAAAATGTCAGAAATGTTGGGGTGTGTTTGTGTTTCAAAGTGC
ACTAATCCGAAGTGTGATCATAAAAATGTAATCTTGCAATTGCAACCATTTGCATTTGAGCAACAGCAGAACAA
TTCTGCACTTTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4691 AY081851|Prunus dulcis 60s acidic ribosomal protein (AL60SRP) mRNA, complete
cds

ACTCTTTGACTGACGGCTCCGATCTCTCCCACTCTTCGTTGCGGCTTCTGTTCCGAAGTTTCTCAAGAATGAAGG
TAGTCGCTGCATATTTGTTGGCCGTTCTAGGTGGCAACACCAGCCCCGGAGTCGATGATGTGAAGGCTATTCT
TAATTCAGTTGGGGTTGAGATAGATGAAGAGAGGATCACCTTGCTCCTATCGGAAGTTAAAGGAAAGGATGT
CACAGAGTTGATAGCCTCAGGACGGGAGAAGTTGGCATCAGTGCCGTCTGGTGGTGGTGAATCGCCGTCTC

CGCCTCTAGGCCGCCAGTGCCACTGGTGGTGGTGCAGCACCAGCCCCAGCCGAGCAGAAGAAAGAAGAGAA
GGTCGAGGAGAAAGAAGAATCCGACGATGATATGGGTTTCAGCCTCTTTGACTAAGCAACTATTTGGTGTCTG
TTATCAGTTAGTGTITTTAGTTGATTTTCGTTCAAGTTTCCGGGCTTTGGTAGCTTGGTAGGGTTTTTCTTTTT
ACTTGTTTTGGAACGCAAAATTTGATAGAGGAAAGTTCATTTGTTCAACTTCAATATTTAGTAATTACTGTCA
TTTGACTAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4692 AC215397|Solanum lycopersicum Tomato chromosome 2, C02HBa0155C10,
complete sequence

TAGAATTTCCATTTTGTGTTAGTCGTTACCTTGCAATGGCCTCAGAAAACATTGTTACAATACTAGCCATCTTC
ACAGTGTTCCAACGTCTGTTAGTGTTATTGATGATGTTGGACAACTACTAAACGAAAATGTGGAAATTGTGA
ATGTCATTCGTGATGCCATAGAATGTGCGAATGACCAATTGAGGACCATTGCAGAGTGGCCAAAGTTAGCTAT
GCAAGACGAAGACGCAACCCGATTGGAAGTCATTAGACAGTTGCGGGTTATTCCTGAGCTAAGTGGATTGGA
TAGGGCACGGTGCCTGAGGAAGCTGATGCAGAACTTGGCCGACATGAAAGCATTCTGGTTCGTACCCGAGGA
GATGAAGATGGACTACTGTAAGGTCATTCTACAAGATGACGCGTGATTGTTTGCCTATTCCATTGCTTGTCTC
GTATTTTTTGTGTTGCATTATGTTTCCTGTATTTGAATTTAGTTTATAGCTCCCTTGCACCCATCTTTTTTCATT
AGATTTCTTTAGGTACAAAGGAAATTATGTTTTCAGTACTTTGTATTTTAAATTTTATATACACGTATTTAAAT
TTTATGAATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4693 NM_001060746|Oryza sativa Japonica Group Os04g0670200 (Os04g0670200)
mRNA, complete cds

TGCTGGAACCTGCTCGAAGAGCAAGAATGATATTTTCGGAGTGAAGGCGATGAGGCGCACTGCAGCAGCAG
CCAGGCCATCATGGGCACATAGAGATGTGACTGTTGGAAAGAGCAGTGCTTAAAGGGTTTGCCAGCTTTGG
GGGAGGTCAAGGATGAAAAGACAGGCTCGTTGTTATTGTGGAATGATACTTCTTCAAGGCCTGTATATCTCA
TATTGTATACCTCCTGGTGTTCGCACATTTTAGTTCTCAATGGGTCGTTTCAGTTATCACACGACGAATGTATA
TAGGATGTCTTTGAATATGAACACTTTGGAACAGAGACTAATTGCTTTCAAGTTATATTAGCACTCCGTCTCTG
TATAATTCTGAATTAAGGCCAATTGTGGCTGTGCATTGATTATTATGATCTGATGTATCATTTCATTGGTATTT
GAAACTTCTTTAGCTTTTCTTATCTGTCCTGAGTAGTAAAGATGAAAAGCACTGCCAGGAAGAATAATAATGC
TTGGCGGTGAAGCCTTGGTGGATCGGCTATTGTGCCAACGAACATGTATTTCTGTTTCACTTAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4694 M16057|Cucumber LHCP mRNA encoding chlorophyll a/b-binding protein, partial
cds

CATTATAAGAGGAGACTAACCCGTCTCCAATGGACCCTTTCCAGTAACAATAGCCTGAACAAAGAATCCAAAC
ATGGAGAACATAGCCAACCTTCCATTCTTCACTCCTTAACCTTCAACTCAGCGAAGGCCTCTGGGTCATCAGC
CAAACCCAATGGGTGCAAGCTTCCACCTGGGTAGATGGGGTCAGTCACCTCTCCGAGTGGGCCGCCAGCAAT
ACGGTAACCTCTGACGGCACCCATCAACACAACCTGGCAAGCCCAGATGGCCAAAATGCTCTGAGCGTGGAC
CAAGCTAGGGTTGCCAAGTAGTCGAGCCACCTTCGCTGAAGATCTGAGACCCAGCTCCAGGTTGTGTGACT
TCACCGAACTTCACACCATTCGAGAGACAAAAGCTCAGGGAAAACGCACCCCAAAGCTCCAAGCATGGCCCATC
TGGAGTGGATCACTTCCAACCTCACGGTTCTTGGCGAAGGTCTCGGGATCAGCTGAAAGTCCAGCAGTGTCCCA
GCCGTAGTCACCGGGAACTCTCCGGTAAGGTAGGATGGTGGCTCACCAGAGAATGGGCCCAAGTACTTGAC
ACGGTCGGGGCCGTACCATGGGCTGCCGGAGGAACTGGCTTGGTGGCAGT

>trans_s_4695 BT004669|Arabidopsis thaliana At4g10262 gene, complete cds

GAACCAACAAAAATTCAAATCCAAGAAGCGAAATATTGAGAAAATTTTATAGTGAAAAAAAAGGAAAATGAG
TTCGTCAACAAGAGCTTTGGTTGTAGCAGCCACCGTGGGCGTCGTGGAAGCACTGAAGGATCAAGGAATATG
CCGGTGGAATCATCTGTAAAGATCGGCGCACCACTACGCTAGAAAACCATGTCCGGTCTATTTCTCAGGCTAAG
AAGCTTTCCTCCGCCGTGCCTTCCGCCAACCGCTTCCAACAGTCGGAGGAATCTCTGAGGACGGTCATGTATCT
TAGTTGTTGGGGTCTAATAACTGAGCGCAACTCAACAAACCGTCCATAGATTACTCTCCGGTTTTGACCGGCG
CTGGTCAGTTTTCGGATCGTGATCGTAATCAATTGTAGACGGTTGGGCCGCTGTTTTCATTTTTATTTTGAA
GGATTGTAAAAGCAATTCACCTAATTATTTAATACAATTGAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAGGGCCCCCCCCGCCCGCGAAAACTAATCAAACCCCCCAACCCCA

>trans_s_4696 AF324674|Arabidopsis thaliana At1g79390 (At1g79390/T8K14_19) mRNA, complete cds

GGAGCAGAGAAGAGAAGAGAAGAGAAGGGCAAAGAATGTCGATTCTGTGGGAGAAGAGCGAAACTTGAG
ATGGCTAGTCAGGAAAACAGAGATTCCAAGTCCTTCTTCTCACTTTCGCCACCGCCTGTGGCCTCGTTCCCT
GCCTTATTGGCTACTGCGTTATGCAAGCTACTAATTCCACCAACCAACAACCTCGAAGCTCGCTCCGCCAAAAT
GCTAGGCCCTGAATCTTATGATGGGGCAAGTAAACCGAGAGAGACTAGCAGAATATCTAGGTGAGCTGCAG
AGGAAAGAAGACACAAATGATCGCTATGTTGCTGCTTGAAGGAAAGACGTTGACAAGGAAGCCATATGTG
AGAATTCAACCAATCCCGAATCAAAGCAACGATGCCACTGTCAAGGAACAACAGATCAAGAAGGAAAAACAA
TAAGTGGGTATGTGCCGTTGAGATCTTTGGAACGTTTTCTTACTATTTTAGGGGTATATCATTACAGTGCAGGT
TCTTAAAGTTTAACTTTGTACGAAAATGGTATGATATAAGTTTATAACAATAACTCTTTCTGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4697 U44386|Solanum lycopersicum heat shock protein (TFHS1) mRNA, complete cds

ACACTCAAATTGCGACACACACAAAAACACCCACAACCTCCCTTTTTTCTTTCTAAACCCAAAACATTCATTTCA
AATTAATCAACCATACCTTTGCCTTCATCTTCTCCACCCTCAGTACCCTCTCCACTCTCTCAGGCGGGGATAC
GCGACGGCGTCTGCAGAAGGAGTTGCGGCTAGAATTAGCAGCATTATGAAGAAGAAGGAAGAATCTTTAAG
AATTGGTAGAGAGAAGATGGCAGTGTCTGTTCCAGACCCGTTACCGGTTATTATAGACCGGAGAACTG
TGGGGCGGAGATGGACGCTGCCGATCTCCGGGCAATGCTCCTAAACCCAACAACAAAGTAATTTATTTAATCA
ATCTGTAAAGCTAATTAAGAACGTAGAATCGAGAGGTTTAGCGTGAGAGGAATTAGGATTGGATAATATTGT
TGGGAGAATTACATGCCACAACACAAATTGGTGAGGTACACAAGCAGATAGGTAGTATTACTCCAGGATCAA
CCAAAATATTTTTCTTACCATCTTTGGAAGTGTCTGCTGTGCTGTTACAATTATTACTATTAGTTCAATAAAATTT
TTACATATATAGTTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4698 NM_121108|Arabidopsis thaliana aminoacyl-tRNA hydrolase/ protein tyrosine
phosphatase (AT5G10700) mRNA, complete cds

TGTGAAGATATCATGACTTGTGTAATTCATCTTCTCGATTACACTCTCCATCTCCAAATCCATTGGCCTCTGC
CCATGTCCAAGGTCTAGGGTTTTTCATCTTCTTCTCTCTTCTCTCCACTCTTCGATTGCGAAATCCCATCCAT
TTTGCTCCGCCTCCATGAGTCAATCCGCTGAACTAATTCCGTTTCTACACCGGACGACGCCGGAGTAAAGGC
GGAGGAGACACCCGACGTTTTGATTAGTACGTGGTGCTTGAAGAGATCTGATTGATTCTGGCCGCTTGGT
AGCGTCGTAACCTCAGGGATGCCATGCTTCTGTCTCTGCCATTTGGTTGACTAAAGATGATCCCCACACTTCCGA
CTACTGTAATCCAGATAATATCGATTCTATGCATAAGGTTACTCTTGAAGTGAAGGGAGAACTCAAATGGTT
AATTATCAGAGAAGCTCAAAGCAAACCTCAATCGTTTATAAATTATGGATAGAACAACCAGAGAACATTCCAA
CATGTCTTGCTACAAAACCTACCCCAAATCTGTTGTATCACCATTTTTTAAAAAGCTAAACTCTGTAAGTGAT
GGAATATTGAATTGCAATGAATCATGAATAATTCTGCCTT

>trans_s_4699 XM_002882929|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinesin motor family protein, mRNA

AGACACTATTACGCGTTACCCGCTTTCTCTAGAAAAATATAAGGGAGTGTCAATTTATGGATATAACGGTACCTG
GAAGGAATGCTCCTGAGGAAGTGAAGTCTGAGTCGCTTATCTCCATTTCTACGAGGAACAGAAACAATTCT
CTCTTCAAAGCGACCATCTGAAAAGCTTAGTAGCGAAAAATCAATCTGGCCAACGGAATAAACCACAATCAG
GTGGAAGGGAAAGAATATGATGGAGATGAGAAATTCAGATCTGAGCTTATTGCAATTCCTTCCTTGAGTCGC
TACCTGAAACTGGAAGTGTACCTGTGGCCTAACTCAAGGGTTAGTAGTGCCTGGATGTCAGTTATAATAGTAT
ACCTTCTTATGTAAAATCAATACGAACTAAGTTCATGGACGCATTGTTGGACTGTAGAGCAAAGCTATCCAT
GTTCTTTTGTGTTTGTAACTAACTCTTGCACGGGTTGTTGTCTGTACTAATCTTGTGGAACTCATTGCTGT
ACGAGCCCAATGAATGAAGTTCGGAACCCCTGGCATACTCAGCATTGTTCTTTTACATTTGTGTCGCTCTAA
TGTAACAGTAATAGCCAGACCATGGTGCCTTAAATATTGT

>trans_s_4700 BT006509|Arabidopsis thaliana At5g49525 gene, complete cds

CGAAGATATCTTTGTTGTCAATTTATGGTCTGAAGACGGAGAGATGAGCCAGAGATGGTACGCCCCAAGTTT
CCGGTGGCCGAATTCGGTTTGTGGCTGCGTTCGGCTCGTTAGTTGGCCGGATTTCAGTTTCTCGAACTTC
AGCATCGAGTGGAAGTCTCCGAACATCAGGTGGTTAATTTTTCAATTCTCGATGATCTCTTATGGACCTTCATC
GCTCTTCTCGAATCCCTAGTTCTTCTTACAATGTTGTGCTGTTTCTTCTGTGCTGTGGATTACGCTCTGATTTT
CTCAATTACCGATTGATGATGTTGTATATATATAAATTTTCTCTTCATCGATTTCAAAATCATCGCAATTAGT
TACATATCCTCTGTAGTTTACTGTTTGCCTCAAGTATTTGATGGTTTCGTGCTTCATCTTCATCGATTTATGGC
CGGAATCCCTAACTAGAAATTAGAAGGATAATTGAATCTATGTGAACAGCTGTGAAAGATTATATATAGGAGAA
TTCTTCAGTGTTATTGTTGTGAATGATTTGTTGTGTTCTTAATTCAATCAAAGATGTTTTTCCCTTTAAGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4701 AF386937|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

ATTCCGATCATTTCTTCGACCTTGTTGGGGTTTTGTTTGGTTCTAGTTTGCCTTACTGTTCTCTTATTGCTCTAG
GTTCTACCTCAAGGAGTTGAAAAATGAAGCTTGATACCAGTGGTCTTCAAACAACCGCCCCGATGTTTGGGCC
AAGAATGGAGGCTCTGGAAGGGTTTGCAGCTGCTCCATCCTTTGAGATCCCTAATTCCAGTGACTTTGATGGC
TTTCAGAAAGATGCCATTCAAATGGTAAAGCCAGCCAAAGGAACAACCACTGGCTTTTATTTTAAGGAAG
GAGTCATGGTTGCTGCTGATTCTCGTGCCAGCATGGGAGGCTATATATCATCACAATCTGTGAAAAAATTATT
GAAATCAATCCTTACATGCTTGGCACTATGGCTGGAGGTGCTGCTGATTGCCAGTTTGGCATAGAAACCTTG
GTGTTAAGTGCCGCCGACACGAGTTAGCGCAAGCGCCGAATTTAGTTGCAGGAGCCTCCAAATTACTTGCCA
ACATTCTGTACTCTATCGTGGAATGGGTCTCTGTTGGGACTATGATTGCTGGATGGGATGAAACAGGTCC
TGGTCTATATTACGTAGACAGTGAGGGAGGGAGGCTGAAAGGA

>trans_s_4702 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

TGGATTCCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCA
AGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTTCTGGGTCGTCTCAACCTTGCGGCAAAATCCCATT
TGGGGGCGCCAGCGTCCCCTACATCCAAAGGATTTACTTGTTACTAATAGAGTCTAGCCTATGTTCTTCTTAG
ATCCCTGTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGAATGCATTTTCATACTATTAA
GTAAGTGAAATAGATAAAACATAATCTGTATTATGGCATATATACCTATTCTAATGGATCTTACGGAGCCT
GGTCATGCACGACATGGTCAAGTCTGATCATGGAAAAGATTCTCTCAAGCGAACCAGCCTACCCTCTGTATG
GAGCTTTCGCGGTGGTTGGAATAAAGACACATTTTGTGTGAATCCCAATGTGGCAGATAAAAGACATATAT

CTACACGGTCCAATCCCGCTGGTTTTTTTGTACTCCATAATCCGCTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGA
GATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTTTCCCCTCTCTC

>trans_s_4703 NM_118743|Arabidopsis thaliana CK1 (CASEIN KINASE 1); ATP binding / kinase/
protein kinase/ protein serine/threonine kinase (CK1) mRNA, complete cds

TTCTTCTCCTCCTCCTCTTTTTCCCCCTCCCGGATGGAACCTCGCGTCGGCAATAAGTTTCGCCTTGGCCGGA
AGATCGGTAGCGGCTCCTTCGGGGAGATCTATCTTGGTACTAATATACAGACGAACGAAGAGGTTGCAATTA
AACTCGAAAATGTCAAGACGAAGCATCCTCAGTTGCTTTACGAGTCTAAGTTGTACAGAATTCTTCAGGGAGG
AACTGGGATACCTAATGTAAGATGGTTTGAGTCGAGGGGAGACTACAATGTTCTTGTAATGGATTGTCTTGTT
CCCAGCCTTGAAGATCTTTTTAACTTCTGTAGCAGAAAAGCTTCTTTGAAGACAGTTCTTATGCTTGCAGACCAA
ATGATCAATCGTGTGAGTTTGTCCATTCTAAATCCTTTCTACATCGAGATATTAAGCCGGACAATTTTCTGATG
GGGCTTGGAAGGCGTGCAAATCAGGTTTACATCATTGATTTTGGTCTTGCTAAGAAGTACAGAGATAGTTCTA
CCCATCAACACATTCCCTACAGAGAAAACAAGAACTTGACTGGGACTGCAAGATATGCTAGCATGAACACCCA
TCTTGGGATAGAGCAAAGTCGAAGGGATGATTGGAGTCCCT

>trans_s_4704 NM_001185717|Oryza sativa Japonica Group Os01g0843700 (Os01g0843700)
mRNA, complete cds

ACACACCAATTTTTCAAATTCTAATTCTGATTCTCCTCCTCTCGCCACCCTCCTCCACGCTCTGTTCCGGAGTTTCG
AAGTTTCATTACCTTCTCAAAAACCTTACCAAATAAACCTCTCTATTATGGAATCGAAACAGGAAACTGGGACT
GGGAATTGGGAGGAAGAGTGTTTCGACGCCGACTCGATGGGAGTGCCGGATTCCGGCGGGGTTTAACTGCCC
TCCGCCGCCGAAGAAGAAGAATGGAATGATGGGAAGAAGCGGGAACCACCGAAACATGGCTATTTTCAGC
CACCTGATCTTGAAGCTCTGTTTTCTGTCCCTCCAAAAGGGAAGCCTGCGCTTAATTTTATGCTCTGTTTTAG
GGATTTAAGGAAATGGGTTTTTTCGCTTCTCGTTTGATTACATTGCTCTATTGAATTGTGAATACTTTTGAGAGA
GTTTGAAAGTTGATTTGGGTTTTTAGATTGCCATTTATGAGAATTTGTAATGAGAATGGAAGAATCTTGGGTT
GAAATATTGTGGGTTTAAATTGGGGAACATAAAAGTTTCATGTTTCTCATTGGACAAATTCGAGTTTAAATCCT
TACCCACAGTCTTTGATTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4705 tpg|BK007053.1|TPA_inf: Gossypium hirsutum aquaporin TIP1;3 mRNA, complete
cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAAATAAATCACGTACAGACAGGAGCAGAATAACATAAATTACAA
CCTGGCCCTGATTTCTTTTCATCTTCAATCAAATCATCGCAGGGTCCAGACACGGCACTCAACGACGACCACA
AAGATGATGATGATGATGATGATGATTAATCATGTAAAGATCCAACGGTCACAAATGAGACACGACCAAAC
CCATCCGATAAAAGAAATTAACCTTAACAAAACCAAATACACCAGATTAAAAAGAAAAGAAAAGAAAGTGGCC
GCCGTCGCCGCCGCATCCGCCGTGGGAGAAGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGT
GGGAGTTGCTCGTGGGAGTTGGAATGAAGATGAATTCGTAGATGAGACCAGCAAGGCCACCACCGATCAA
AGGTCCGGCCCAGTAGACCCAGTGGCTTTCCATGACCAGCTGACGACTGATGGGCCGAATGCCACGGCGGG
GTTTATGGAGGCTCCGGTGAATGCTCCGCCGGCCAAAATGTTGGTCCGACGATGAAACCGATTGCGATGGG
TGCAATTGTTCCAAACTGCCCTTCTTGGGATCCACTGCGGTTGCGTACA

>trans_s_4706 XM_002863977|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT5g49970/K9P8_11, mRNA

AGGAGAAAACCTATATTTCTCCAGAATTTCTTGAAGAAAATGTAGATGCTGATCCTATTTCGTCAGTTGCTGCTAA
TTTAAGGGAACCTAATGCAATGTCTTTGTCCACAGCTACAAGTGATGGAAAACCATCATCTCGCATGGTTTTGC
TAAAAGGAGTTGATGAAGATGGTTTTGTCTGGTACACAAATTATGAAAGTCGGAAAGCACATGATCTAGCTG
AAAATCCTCGTGCTTCACTTCTTTCTTCTGGGAAGGTCTCAATAGGCAGGTAAGAGTGGAAGGATCTGTACA

GAAAGTTTCTGAAGAGGAATCTGAGCAGTATTTCCACAGCCGTCCTCAAGGAAGCCAGCTCGGTGCAATAGC
GAACCCACAGAGTTCTGTAGTTCCTGGAAGACATTTTCTCATCAATAAGTACAAGGAACTAGAAGATACATTCT
CGAATGGAAGTTTGATTCCGAAACCAAAACACTGGGGAGGATACAGGCTTAAACCAGAACTTTTGAGTTTTG
GCAGGGGCAGCCATCTCGGTTACACGACAGGTTGCAATATTCCCCTTGCATATAGATGGAAAAAAGCTTG
GAAAGTAGAACGGTTGGCTCCTTGATGGCTCCTCCATCATTACGT

>trans_s_4707 NM_102297|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family
protein (AT1G24530) mRNA, complete cds

TATATACAGGTTCTGGCCGATCGAAAAATACGAGTTTGGGCGAAACCGGAGGCGGAGAAACGGCATGTACTG
GTAGCAACTTTGGAGAAGCATAAATCTGCGTGAACGCATTAGCGTTAAACGAAGACGGTTCGTTGCTGTTCT
CCGGTGCCTGTGATCGGTCGGTGTGGTATGGGAAAGAGAAGACAGTGCGAATTACATGGCGGTGATCGGG
GCATTGAGAGGTCACAAAATGCGATCTTGTGTTTGATTTACGTTTCAGGTTTGTGTTGAGTGGGTCAGCAG
ATCGGACAGTGAGGGTGTGGCGACGGGGAGGAGATGGGAGTTTAAATTGCTTAACAGTATTGGAAGGTCAC
AAAAAACCGGTGAAATCGCTGGTGGTGTATCGTCGGAGGGGAGGGGATGATGTCAAACGGCGTCGTATCG
GTGTGTAGTGGGAGTCTTGATGGAGAACTCAAAGCTTGGAAAATTTCACTTTTGAATCTTAATAGTCCATTGCC
CAATTCGAATATTATGAATTGCAGCTAATGGATTGGAATAATAAAATAATTTCACTTTGCTTTTTAGGAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4708 BT025695|Arabidopsis thaliana At3g01130 mRNA, complete cds

AGAAGATTAGGGTTTTACGATCTAAGCAAGAAAGGAGAAGTATCGGCAGTCGAAGGAGAAGGCAAGTTCA
AGTATTTCTGCCTTGCCAGTGATAATCATCATCTACATCTAATGGCGCCCCCTCCTGGCCCTTACTCCGGCACCA
GCACCTCGCTCTGGTAGCCCGTGCATCAGCTTTCACCTTGGTTTAGTTTACGGAACATTAACTCAAGGTT
CTGAAGGCAAAGGCCAAGTCACGTGCCAAAGCTGAAGCCAAGGCCCATCACTGATGAAGTCACTTATGATGT
AGCTTGTAGCGATGGAAATTTCCACATAGGGAGACACTCTGATCATTGGTTGGAGAAATATGATTTTTCGCTT
GATAATTTAGTAAATTTTGTATTTTACTGCCGAAACAAAGAAATTTCTTTATTTAGACGAGGTTGGTTTTGC
GAATACCGTATGGTGTACGCTTAGTTTGTCAATTCCCATTGGTAATATTCTACCTGTGAGAAGGTTGTTCTTGA
AATAAAGGCCACACACCATCTGATGAATAAGACAGTTTGAGATTTTTTTCTGTAAAGATAACCACTCTCGTTTT
GCTGTTTAAACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4709 XM_002872059|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PDE225/PTAC7, mRNA

ATGGCCACTCCAATCTCAAACTCTCCTTTGCTTCCCCTTTTTGCCGCTCAGGATTGAGGCGAATCCCAGAATT
TCTCCTGCCTTGAACCTCCGTCCCCGTTTCAGGTGGTCGCTAGAAAACAGAGAAATGGTGAAGTTAGTGGTC
GGCGAGTGTGGCGACGAAGAAAATTGACAAAGAAGGATGACATGTCGATCTACAAAATGGATCGAATCCCAT
TCCTTGAAGAACAGGTAAGGAGGGTAAAGGAACAGGGAAAGCTCATCACAATGGACATTGAAAGACTATTAT
TATCAGAGGACAACCGCTTTGATTTTGTGAATGAGGTTGCAGCTGAAGCTAAGGAATATGTGAGAGCAACC
GCGATGAATATGGGGGTTCCAAGAAAGCCATTCTCATGTTCTCAGCAACCGTGTGAACGATGCAGGGTTTTA
TAGGCCAGATGCTTATGCTGAAGATGACCCATTTAAACCGGGACCTCATTATCTGAAACAAGAATTTACTTGA
ACAATTTGATTACAAAATCCATTTCTTATACAGACTGTCAATGCATTAATCTGATTTTCCAGTCTTTAAATGTT
AGTGCTTTGTCTCTTCTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4710 EU106658|Camellia sinensis inosine-5'-monophosphate dehydrogenase (TIDH)
mRNA, complete cds

GTTGCTTCGCACAGTGGCGTGCCAGTTATCGCTGATGGTGGAATTTCAAACCTCTGGGCATATTGTTAAGGCTTT
AGTTCTTGGGGCATCAACGGTAATGATGGGAAGTTTCTTGGCTGGAAGCACCGAGGCCCTGGGGCCTTCGA

AACGAAGAATGGTCAGCGTGTAAGAAATATCGGGGGATGGGGTCTTTAGAAGCAATGATCAAAGGAAGTG
ATGCGAGGTACTTGGGGGATACTGCAACCCTTAAGATAGCTCAGGGGGTTGTTGGAGCAGTTGCTGATAAGG
GTTCACTCTTGAAGTTCATACCCTATACCATGCAAGCAGTGAAGCAAGGGTCCAAGATCTTGGTGCTTCTCC
ATCAAATCTGCCCATGACCTCTTAAGCTCAAAGGTTTTAAGGCTAGAGGTCCGTACAGGGGCAGCACAGGTTG
AAGTGGAATTCATGGATTGGTCTCTTATGAAAAGAGATCTTTTTAAAAAATCAATACATTCTGGCTATAAGC
CGATCCCCCTCTTAAAGCGGGACTTGAAGTGTGAGATGGATATTTAGATATATATTGTGACTCATGCAATAAT
TTATTTACAATAAAGAGGGTCAAGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4711 X60391|P.vulgaris mRNA for prolin-rich protein (PvPRP1)

ATCACAAAGCCTAAAGCCTTCTCAACCAAATAAATTTAATTAATTTGAAGCAAAGTTGGTTGTGGTTTTACC
TCTCTGCTTTGCAATGAGAACTGCTGGCATTCTTAGGCATTTTCTGTCTTTCTTTGCTTGTGAAGTCTGCTG
TATGCAGCAGAAAGAAAGTGTGCTGAATTTCAACCTGGCAAAGGAGCAGCTGGTGTAAACAGCTAAGAATGGA
GAAGAAGAGCAAGAGGAGAAATTCAAGTTTCTTCATCACCACAAACCATACTACAAGAAACCATTCTAAAGC
CAATTCCATACAAACATCCATTCTCAAGAAGCCAATCCAGTTCACCCATTCCATAAAAAGCCAATTCCAGTTC
ACCTTTTCTGAAGAAGCCAATTTCAATCAAGAAGAAGCCCATTCCAGTTCATCCATTCTCAAGAAGCCAATTC
ACCCACCAAGTCTCCACACCCATCCTTGAAAAATCCCTTCTTCTCCACTTTCATATGCTATATAAGAATGACAAT
GTTGTCTGTGACATAATGAAGTGAGAGTTAATTTTATTACCAAAAAAAAAAAAAAGAAGCCGTGAGGTCTAT
TATTTCTGTCATTTGGGTAAAGTATATTATTTGGA

>trans_s_4712 BT010605|Arabidopsis thaliana At5g22210 gene, complete cds

TTTATTTCAATTCGAACAGATAAAATTGCCACCGTGCGACGTCCGTTACGTCACCTTCGATACCGCCAATCCG
GCTGCGAGCTACGACGAAGCTTCTTTGGCTAACCTACATGGGAAACAGACCCGTGAAGCAACCACAGGAAG
AAGTTTTCTGAAGATAGTACCTCCTTTGGACCAACATATGTTAGATGGCTAGCTCGTGATCTCGAGAGGATT
CATGGCTTCACCCCGAGAAATCCTCGTGCCGTGAAGCCTCCCGATCACTACATAGAGTTCATGCGCTTGAATG
GATGGTTGGACGTGAGCTTAGATGATCCAGATCTCGCACGTTTACTCAAATAGCCATGTCTTACAACTCGAA
AGTGTATCATTGTGGACATCTATCCTCTATCTTCTTATAATGTTAGTTCAAAGACTCTCCAAGTGTCAATTTGGAG
GTAATCCTGTTTATGTCAACCAGTTGTCCATTAGCAATTTCTGTTAACAGGAATTGTGGAATAAAATTCTATGG
TGTTGCCAAACCATCACCTCAATTCGATATTTGTAATGTCATTATTACTTCACATTAGTTGAAATTTACCATTTTC
TTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4713 AC183493|Brassica oleracea Contig B, complete sequence

ATCACAACTAAACCTTTTGTCCATAATACACACACCAATAACTAAATCAAGTTAGATATCACAATGATTTCTAC
CGTGCTTGCCAACATCGGTCAACATGATCCCATCCTCCATGTGACGTCAAAGGATACGAAGGGTGATCATCAA
TCCGAATGGATATCGATTCGCGCTATCGAAGACCCTTACGTGCAAGAAGTCGCGAAATTCGCCGTGAGAGAG
TTCGAGAAGGAAAAAATGGCAAGATCTCAATACAAACGGTTGCTAAGTTGTTGGATTAAAGAGGAGATGGGA
GGTATAAAATATCGTCTTATCCTCGAGGTAATTAAGAAGAAAAAATTGAGGGTAAATATGAGGCTATTGTAT
GGGAGGCTTCTGGCCGTTTGATTATAAGGAAGCTTAAGCTTATATCTTTCATGCCTTGTATGCATGGGGTTGCA
TGACATTTCCATCCCCTCTTGTATAATTCAATCTACAAAGCTTATGGTGTGAAATGCCATTGGTAAATAAACA
AAAAAAGGAAAAAGAAGTATATATACTTTCTATGTAAATTTCTTCTCTATGTTATTCAAAAATATGGAT
CTTTGTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4714 AF320906|Citrus unshiu metallothionein-like protein (MT45) gene, complete cds

TCCAGCTCAGCTGGCAGTTCCTGTCTTTCTTCCACTCGTGCCGCCCCAGCCTCCGTTCTAGTGATTTTACATTTAT
TTTCATCTCCCTTTGTTTCTGTTTTAGGATTTCTTCCCTTTTTTAAAGACTGCATTCCCTTCAGAAATTGTGGCAT

GGGTGGTTTACCTGTTGTAAATCTTCATCAGCCATAGCATTGCCGGAATCGAAACTTGACCAAGCGTCAACA
GTCGTCAAGTCGACCCCAGATGGAAAACCAAAAAAGAAGATATGTTGTGCCTGTCCCGATACTAAGAAGCTTA
GAGATGAGTGCATAGTGGAGCATGGTGAAGAAGCATGTGGAAAATGGATCGAGGCTCATCGTAAGTGTCTTC
GCGCGGAGGGATTCAACGTCTGAACTTGATAACCTAATACAATGAAAGATTTGATTTTCTGCTAGTTTACAGTT
TAGATATTTGAGAGATACAGATACCAGAGAAAATTGAGAAATAAAGTGAGAAAGAAGGTATAGCCAAAGCT
GCAATGCAGTAAGTACAATTTGGCTTCGTATTTTGTAGGCTCGGGCCTTTGTTATTGACTTACTGTATTAATTT
CCTCATGTTATTCAAATTTCTTACTATTTCTTCTAA

>trans_s_4715 U10046|Pisum sativum ribosomal protein L27 homolog (RPL27-5) mRNA, complete
cds

ATCGTCTCAACAGAACTAAACGGTAATCAAAGCTCCAATCCAGTGTAGAAATGGTGAAATTCATCAAGCCGAA
CAAAGCTGTTATTGTTCTCAAGGCCGATTGCGGCCGGAAGCTGTAATCGTCCGAACTTTGATGAAGGA
ACCCGCGACCGGCCCTACGGCCATTGTTTGGTAGCAGGGATGAAAAAGTACCCGAGCAAGGTCATTGCGAAA
GATTCAAAGAAAAAGACAGATAAAAAATCGAGAGTGAAAGCATTCAAGCTTGTGAATTACCAGCACATT
ATGCCGACGAGGTACACGCTCGACGTTGATCTCAAGGATGTGGTTAATGTGGATTGCTTACAGTCGAAAGTGT
CGAAGGTTGCGGCGTCGAAGGAGATCAAAAAGAGATTGGAGGACAGGTTTAAGACTGGGAAGAACAGGTG
GTTTTTCACCAAACCTAGGTTCTGAGGGTATTATTTCAAGTTTTGGAGGGCCTTTTTTTTTTCTTCTCTTGATT
CAAATTGTGATGAACGATTTTTATTATGACGATGAATGAATGTGTTGATTTTCCTTAGCTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4716 XM_001699316|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ATTTTATACTTTTCATGTAGACCCACCTCAATGCTTCAGCTTAATTTGATTAATAATCGTTTCTAAGCGTCAGA
TTTTCATTGGGTAAACGAGGGACCCGTAATTTGTTTCTGTGGTGGGTGCTGCCTACTCGCTATTGGGTGGA
ATCAAAAGCTTTAATCGCGTAGCTTTGAAAGCGATTTGAGGACAATCTCGAACAAGCAGAAGGATTCCTATA
GATATTAGTCTTTGTGAGATTTTGAGTGCTGGATTTGACGTGTGAGTTTATTTTCTACGTATTTATCCAAC
GTCAAAGGGGGTTTTGATTTGTCTCTGTTTTTCTTTTTAATTTATTTTTGGGTTCGTTGTAATTCTCAAGCAA
TACAGACCAAGGGTTTCTGGCTGGTCTATCTCGTGTGATGTGGGTTTGTGGATTGCTGGAGGTTGGCTG
GTTCTTGGAGGAGACGATCAATACAGAAATTTAAGCCAAAACGTTTTGTCAGGGTTGAATTGTGAGACAACC
TAGATTTGCCCTTTGATCTATTCTTGACGATTGCTCTCATGTTGTAGCCATTTGATAAGTTTGAGCTCCATTA
ACCATGGAGGGTGCCGTCGAGACACTACACTGT

>trans_s_4717 AJ844002|Plantago major mRNA for copper chaperone (cch1 gene)

ACAGCGCAGAGATCGGCAAGCAAGGGCGAATTTTCCAATACTTTTTCCACAGTTTCTCTTCAAATTTCTTTAA
TCTGTAACCATGTCTCAGACTACTGCTTAAGGTTGCTATGTCATGTCAAGGCTGTGTTGGGGCCGTCAAAAG
GGTCTTGGGAAAACCTGGAAGGAGTTGACACGTTGACATCGACATTGATGCACAAAAGGTGACTGTGAAAGG
CAATGTAGAGCGCGACGTAGTTTTCAAACCTGTTCAAAAACCTGGCAAGAAGACTGCCTACTGGGAAGACGA
CGCCTCGGCAGCACCTGCAGCGACACCAGCACCGGCTGAAGCAGAAGCTAAACCTGCCGAGCCCCTGGCCGC
TGCTTAACTATTACCATTTACTTAATGGAAATTTCCCGTTCAATGCATAAGGTCTTTATTTCTGAAGCTAAT
AATATTGTAATAGTATGCAAACTTGTCTATTTAGTCTGTAATATTTTTATTTGAGCGTCTTGTATGACCACC
TACGTTAAATCTTAACCATAGTCTACAGATAATATATCTGTTTTGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAACCGTATATAATTAAATTTACCGTAATCTTTTAGC

>trans_s_4718 AY078016|Arabidopsis thaliana At2g43780/F18O19.11 mRNA, complete cds

AAGTGTAAGTTTGCTTTTATCTCATCGTATTCTTGTTTCGTATTGCGTTGATTATTCGTTATGTATTTAGTCTGTTT
TTCATATTTCCGAAGCGTTGGAGTAATGTTAGAAGTGCATAATCTGATACTTGTTTTTTTTATTTCTGCCCAGC
CTGCAAAGCGCGAGGATCCGACCTCAGAGTCCATTTCAAGCGTTAAAAGCTCCAAAACAGCAGTGTCTTAGGC
CTGCTAAAATGGCTGGACTTTTGGGATATAGTGGCCTTGGACCCAAGACAAAGAATATCGTTGTTGCTGGAGG
TTTAACTGCATTCGTTTTCGGGGTATATTTCTACACCATGAGAGCTGTTGGAGGTTTCGGATGAACTGCAAGTA
GCCATTGACAAGTTTGAAGCGCAGAAAAGCAACAAGGAATCAAATGTGTAGGCTTCGAAATGAACTTTTTTTT
CCCTCAAGGATGTCCTTGTGACCATAACAACGAGGAAACATGTTTCATTGGCAATAATATGTTTCCATGAACTC
TCTAAGAAGAAATACTATGTTAGGTTGATAGAGGGATATGTTTCCCTGTTTAGGAAGTTCAAATATTATGTGC
TTTGTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4719 XM_002872030|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-8 (TUB8), mRNA

GATGAGCACCAAGGAAGTTGATGAACAGATGATCAATGTTCAAACAAGAACTCTTCATACTTTGTAGAATGG
ATCCCCAACACGTGAAATCTACAGTCTGTGACATTCCTCCAACCTGGGTTGAAAATGGCCTCGACTTTCCTTGG
GAACTCAACATCGATCCAAGAGATGTTTCGCCGTGTTAGCGAGCAGTTTACTGCTATGTTTAGGAGGAAGGCT
TTCTTGCAATTGGTACACAGGGGAGGGTATCGATGAGATGGAGTTCACTGAGGCTGAAAGCAATATGAATGAT
TTGGTTTCTGAGTATCAGCAGTATCAAGACGCTACGGCTGAAGATGATGAATACTACGATGAAGATGATGTTG
CGGATCAAGATGAATGAATGTTGTGAAGATGTGTGTTAACTTCAATTGCCAGTCTCTGGCAAGTTTTTGGTT
GGATTTATGGAGGCCTAAATCAATTCATAGCTGTAGAATGTTTTAGGCCCTTATATCGTCAATTAAGATTGCAT
TTTCCTTTTTGGTTCTTAATTGTGTCTGATAATGCAATATGAAGAATATCAGTTACATATGCTCGTATAAT
TTGTTATTCTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4720 NM_100711|Arabidopsis thaliana PSAO (photosystem I subunit O) (PSAO) mRNA,
complete cds

CTTCTACAAACCAACTGCACCTCCCGACCCCTAAATCCGCACTAATCCCGATCCCCACAAAATGGCCACCGCCT
TCGCTACCTCCTCTGTGCGCGGCTCGGAACCGCCTCCCTCTCCTCTCCTCCAGATCTCCCGTCTAGTCTC
CGGGTTCAAGTCGCCCGTGGCCGCCAGGAATCCGCTTAACGTAGGGCGTGCATCCCGTGGAAGGTTAC
CTGCTTTGAGAGGGATTGGCTACGGAGAGATCTGAATGTTATTGGATTGGACTGATCGGGTGGATTGCCCC
ATCGAGCATTCCGGTGATCAATGGGAAGAGCTTGACGGGGCTGTTCTTTGAGAGCATTGGAACAGAGCTTGC
CCATTTTCTTCTCCACCCGCCCTCACTTCTCAATTCTGGTTGTGGCTGATTACGTGGCATTGGGTCTCTTCATT
ACGCTTACTTTTGGACAAATCGGATTCAAGGGAAGGACCGAAGACTACTTTTCAAAGTGAATATGTAATAATT
CTTAAAAAGGAGAGAGAATTCTAGTTTTTGTATTATTATTCATGTTTATAAGTTTAAACTTATAAGTAGTGTT
TGTGTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4721 AY095999|Glycine max beta-amyrin synthase (AMS1) mRNA, complete cds

TATGAAATAGATTTTGAAACCGCATCTAGTAAACAATATGGGATTGAAGGAAGAAAACCTGAAATCTCCAAAG
CAAGTCACTGCTACATTGAACATTATTTGATTTTGGTAAAAAGATTGACGAGCAGCTTCAACTTGGGCTCGTT
CCTCAGGAGTGCCTGCACTTGGATCAAATTCCCATGTTTGTCTTCCAACGAAGTTATTCCTTCATTTCTTTCACC
ATCTACGACCAATTGAAGATCTACATTGTTCATTTTAAGAAAAATGAGATAAAGACGAACTCAATTGCTGAATT
AAAGGTTAGATTGGAATGTACTTCAAGAATGATATACCATCATCGACTAATTTGGAGAATGGCAAAAAGAAG
AAAGAAGCAATTCACAAGACGACTTGCGTATAAGAACTCATCGATAAGCAAGAAGCCCAAGAATTCACACTG
CAAGGCAAGATGCCAACACATCACGCGCACTACTACAAAATCTACTTTACTTGGCACTAGCTACTTTTACGTAC
TTATTTTGATTTGTATAAGTTTTTAAACTTGAAGTTGCTCAAGAAAGTCACACAATGCCCCGAATAATAGTAA
AGGAAGATGAAATGAACTTTTGACATTTATTCCTCTT

>trans_s_4722 XM_002890417|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

AATTCCTCAAAATCTGTGCAAGTCGGTGTCTCATCGTTCATGTAAAATTCTAATCAATATATGGAATGAAGAGG
GAATTTTACGCGATTTTCAGTTTAACTCTCGAACAAGTATTCCGATTTCTCTCTCCCTCTCTCTCTCTGCTGTT
CCTTCATACTTTTCTAGAATTTTGAACAGTTCACCTCAAATCATCATTCTCCAAGGAAAGTATCCATTGCGCAC
TCATGGCTTCGGACTATGCGTTGAAGGTCCCTGCTGAACCTGAATCAGCGTTGCGGTTGAAGACTGTTGAGTA
TTTCATTACGAAAAGGCCGTGGCTTGATCTCTATGGTGTTAATGTTAGACCTGTCGCACCATTTGGAAGTTCAA
GTAGGCAGCCATTTGTTGATCCAGCATTAAATACATCGCAGCTTACCAGATGAGTTACTGTTTGAGGTCTTTGCC
AGAATTACTCCTTATGACCTGGGGCGGGCGTCATGTGTGTGTCGAAAATGGAGATACACCATCCGGAATCCTG
TATTCTGGCGTAATGCTTGTTGCAAGGCTTGGCAGCTCTCTGGTGTGGTTGAAAACATAAGTTTTTGCAGTCT
ATGTATGATGGATCATGGAGAAAAATGTGGTTT

>trans_s_4723 EF672640|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 14 (FLA14)
mRNA, complete cds

GTCCCTGCTCACCTTCCCTCCTTCACCGACACCCACGCCTTTTCATCTTCCCATTATTTTCCCGGTTTCTTCTCCA
TTGCCCATTTTCATCATTGCTCCTCTCTCCTCTCCGCCATGGATTCCCCATCCCATGGCGTCTCTCTTTTTCTCT
TTCTCACCTTTTCTCCTTTCCCCCTTCTCCTCCGCTTCCCTCCGTGCTAACCCTTCTAAATCCCCTTCTCTA
CCTCTACGGCCGCTTCTTCTCAGATCAATTCCAACCTCCATCCTCGTTGCCCTTCTTGATTCACTATACTGAACT
TGCAGAGCTTGTTGAGAAAGCCCTCTTGCTTCAAACCCTTGAGGACGCTGTTGGAAAACACAATCTCACCATT
TTGCACCCAGAAATGAAGCTCTGGAGCGGGAGTTGGATCCTGAGTTTAAGCGATTCCTTCTTGAGCCACGGAA
TTTGAAATCGCTTCAAACGCTTTTGATGTCTCACATCGTTCCTAAAAGAGTTGGGTTAATCAGGATCGTTCCTC
TTCTCCGGTTCGACATCGGACATTGGGGGATTCCCATTTGGATTTGAAGAATTCTGATTCTGGTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4724 AF284760|Pisum sativum HCF106 (HCF106) mRNA, complete cds; nuclear gene for
chloroplast product

ATCTGTTTGCTGGGTCTCCCCAGTTCATGGTTCTTCTCAATAATCATGGCCTCCAAAATTTAGTTTCGACATT
CCCATTTTCCCCATCACCTACTTGCTCAAGACTTTCACCTTCCACTTCTCTTCTCTTCCATCTTATACCCAGAA
CCCCCAAATTTATCTCTCCTTGTAATTTCCCACTGGGTCTCCGCCTTTTCTCTCCGTGGACTGGTTTAAAGCA
CTTGGGTATTTCTACCAGAGGAAGGTCTCCGTTTCCGTGGTGTGTTTGCAGAGAGAAGGAAGAGAATTCCTA
AGGGGAAAGCAGTTTTTGCATCTTTGTTTGGGGTTGGAGCTCCGAAGCACTGGTTATTGGGGTTGTGGCTTT
GTTAGTTTTTGGTCCCAAGGACTTGCTGAGGTTGCTCGGACTCTGGGAAAGACCTTACGTGCATTTCAACCC
ACTATAAGAAAATTCAGGACGTTTCTAGAGAATTCAAGACCACGCTTGAGCGAGAAATTGGTCTCGATGAAA
TTGAGAGTTTCAGTTAACAGCTCATACAATGCAAGCAAATCTACCTACTCAAACCCACCTTTCTGTTCTAAAGCA
AAAGAGCTTTCAGTGGCTGACCCAAGTGAGCG

>trans_s_4725 NM_113395|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L13A (RPL13aB)
(AT3G24830) mRNA, complete cds

AGCTGTTGCGATTGAAAGAGTAGCGGCCGAATCGAAAATGGTGTCGGGTTCTGGAATATGTGCGAAGCGGG
TCGTCGTCGATGCAAGGCACCACATGCTCGGAAGGCTTTCCTCGATCATAGCCAAGGAGCTTCTCAATGGCCA
GAAGGTGGTCGTCGTCGATGTGAAGAAATTTGCATCTCTGGAGGTTTGGTTCGCCAGAAGATGAAGTACAT
GAGGTTCTTGAGGAAGCGTATGAATACAAAGCCTTCTCATGGCCCCATTCACTTCCGTGCTCCCGCCAAGATCC
TCTGGCGAACAATCCGTGGGATGATCCACACAAGACAAAGCGTGGAGCTGCTGCTTGTCTGCTTTGAAGGC
ATATGAAGGTGTTCTCCCCCTATGATAAGATGAAGCGGATGGTCATCCCCGACGCTCTCAAGGTTTTGAGG

CTTCAAGCTGGACACAAATACTGCCTGTTGGGCAGACTCTCATCGGAAGTGGGATGGAACCACTACGACACTA
TTAAGGAGCTTGAGAGGAAGAGGAAAGAGAGGTCTCAAGCTGCATACGAGAAGAAGAAGCAGTTGACTAAG
TTGAGGGTCAAAGCCGAGAAGGTTGCAGACGAGAAGCTCGGTCCTC

>trans_s_4726 NM_119718|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositolglycan-related (AT4G35530)
mRNA, complete cds

TTATGCCAAATTTTGGAGTCCAACCTTGAACTCACTTTCGTAGTGGAAGTCCTTCGTCGGTTTGTGCCTGTT
GATAAAATTTTAAAACCAAGTTCTCCTTGAATGCCTAACTCCAGTTACATGTTACTGGAGTCTGTCCTTGATTGTA
CAAGGGGAAGACGAACTATTGTTGGTTTTCAAGGAATTACGTCCACCGGTGAAAATGCTGGTCCCTATCTGGA
AGGCTTTATGTACCGCTACCGGTGATGATAAAAATGGAGATGCTTGTCATAAGGCGATGGCAATCGTAGCTC
CTGTGTATCATGTGAATTTGCCAACTCAATTTCTATCTTTAGTCACGTATGTAAATGTATTAATTTTAGTTGTAT
ATCATGATGATATTTTCTCTTCCATTGATTTCTGTTTAAATATTCTCAATTCATTTTCTATTTTCATACATTTA
AGTTTTATTTTGTGTCTTTCCTTTCTAAAGAATACATTCATTATGATTTAAATCTTAAATGTTAGTAGAACGAATT
TAATATATAAAACCAAAAACTAAACCATTGTCAAATTTGTTTTCAATACAATAATTGAGGTTGACAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4727 BT010777|Arabidopsis thaliana At5g53250 mRNA, complete cds

AATAACGAATTTCAAATTTCCAACGCAATTTGTTACCAATCAAGGGAGAAAAAACTACAAAAAAAC
ACTACATATCGAACCCAAAATCATTGATTAATACAAAAGTTGTCAATGGATGATGTAGGTAATGGCGAGAGC
AAGCAGAAGAAGAACGTACGCAATCCCTTGGTCAATTGCAGCTCCTGCAACAATAACAAATATCAAAATACA
AACTAACTAAAAAGATTCAAATAAAAACTAATCAAGTGATTCTCGAACTTATCGTCTTAATTGAACACTTC
AAATTACAGAATTTAGATTGAAGAGTTAGATTCAAATTACAGAGTTAGAAGGAAGAACTAAATTGTGAAATTT
CAAATCAAATAGACGAGATCAAACCACATGTAGAAAATCGTAGTTACAGCCAGGAACTACCGTCGTTAGAA
GGACCTTCCGCCGGTGAAATATCGTGGGAGTGGCCGTGAGCCAATTGAAGAATAATCAAGAACAAGAATCCG
ACGAACGGAACGGCAGTGAGCTTCAACGAACTCATGTTTTGTGAATCGACTAGAAAAATTGCCGAAAATTTAG
AAAATCAAATATTTCTCTCTATTGAAATCGAAGTTGAAGTTT

>trans_s_4728 AY107168|Zea mays PCO087750 mRNA sequence

AATTCTGTTTTCTCTTTAATCAGCGGTCTCCTCTGTTTCCTTCCAACGCAAAGAGGGAGCAAAATCGTCGCCTT
ATCCCCTTTCTGTATTTCTCAATCGATTCCGCCATGGGAGGAGGCAATGGTCAGAAGGCTAAGATGGCTCG
TGAGAGAACTTGAGAAACAAAAAGGCGCCAAGGGAAGCCAGCTTGATTCCAACAAAAAGCTATGACTAT
TCAGTGCAAGGTGTGCATGCAACATTCATGTGTACAACCTCGGAGGTGAAATGTAGGGAGCATGCTGAAGC
AAAACACCCCAAATCTGATGTTTTACCTGTTTCCCCATCTTCAAAGTGACAATTCTACATTCAAATGAATG
AGAGATGGGTGTTTTCTTATTCAAGGTGTGTGTTACAGAACATAATATCAAATCTGTACTTTTGATCTGAT
ACACTGTGACTTGCTATACTTCTGCATGCTACAATGTGTTACAGCCTGCTTAAATCGATGTTTGCAAAACAGCT
AAGTTTCTGTATGTCACAATTAAGTTGGTTAGGTTTTCAAGTTTTATTAATGAAGTGGTGCGATGTGAATTACT
AGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4729 EU717679|Litchi chinensis ARF-like mRNA, complete sequence

TGACGAGAAAGTTGATGTGGTTTCTACATCTAAGAAACATGGAGCAGATAGCTGGATACCTCCAGGAAGGAG
TGAGCCAACCTACGCAGATCTACTGTCAGGTTTTGGAGCTGATATGGATTCTTCTTGGTGTTCTGCTGCCA
TGGGAGATTCTGCAGTAGTCACTGCTAATTCAATCAGAAAGCATGCCATGGAACAAGATGGAAAATTTAGCTT
CCTTGGTGGTAGCTCATGGTCTGTCTTGCTTCTGGTCTCTCGCTCAACCTGGTTGACTCCAGTCAGAAGGGTC
ATATTCGGGCTGGTGACTTATCTTATCAAGTGAGAGGAAATGCTACCTTCAATGGATTTGGCGATCATTCCATA

TCCCATTGTCCTAGAACTGAACAGCCTCATGGAACTGGCTGATGCCTCCACCTTCATCTCATTTTGACTATCCA
ATTCATTCAAGTGAAGTGTCAAAACCTATGTTATTTTCAGAACCAAGATATACTGAAACCCAATGATGGGA
ATTGTAAGCTTTTCGGTATTTCCCTCGTTAAAAATCCTGCTATTCCAGACCCTGTAGGATTGAACAGAAACATG
ATGAACGAGGCAGATGTGATGCATCCCAATGTACAT

>trans_s_4730 AJ235817|Antonia ovata chloroplast rbcL gene

TCTTGCCCGTCGATTCTGTAAGCGGCCCTGCCGTTTCTGTAGATGGAGCTGTACTTTCTGCTACGAGCTTGAC
ACATGCTTCTAGAGCTACTCGGGGCTAGCATTACAACCTGTACGGCAAAACCTTTGTAAAACCTGGAAGAAT
AATCCGTGTAGTACAGAATCATCTCCAAAAATCTCGGTTAGAGCAGGCATATGCCAAACGTGAATACCACCGG
AAGCCACTGGCAGAACACCTGGTAAAGAAACCCAATCTTGAGTGAAATAAATACCGCGGCTTCGGTCTTTTTTC
AATAAAATCATCACGTAGTAAATCAACAAATCCTAAAGTGATTTCTTTTCCCTTCAAGTTTACCAACTACGGT
ACCAGCGTGAATATGGTCTCCACCAGACATACGTAACGCTTTAGCTAGTACACGGAAGTGCATACCATGATTC
TTCTGTCTATCAATAACAGCATGCATTGCACGGTGAATGTGAAAAGTAGACCCGGCGCTCGGCAATAATGAGC
CAAGCTAGTATTTGCAGTGAATCCACCTGTAAAGTAGTCATTACGATAGGAACTCCCAATTCTCGGGCAA
ATATAGCCCTTTTCATCATTTCTTCGCATGTGCAAGC

>trans_s_4731 NM_118203|Arabidopsis thaliana TPP2 (TRIPEPTIDYL PEPTIDASE II); tripeptidyl-
peptidase (TPP2) mRNA, complete cds

ACTCATGCAAGTTGACAAGGCATATGAATATATTCGGAAGTCCCAGAATGTTCTTATGTTTGGTATAAAGTG
AAGATTAATCAATCTGGAAAATTATCTCTACAACACGAGGAATTTACTTGAGAGAGGCTAGTGCCTGCCGTC
AACTTTCTGAGTGGACAGTACAAATTGAACCCCAGTTTCATGAAGATGCGAATAACTTAGAAGAGCTGGTCCC
TTTTGAGGAGTGTATCGCATTGCATTCCAGTGAAAAAACAGTTGTCACTGTTCTGATTATTTGCTTCTCACACA
TAATGGACGCAGCTTCAACGTAGTGGTTGACCTTCCAATCTTAGTGATGGCCTGCACTATTATGAACTCTATG
GCATTGATTGCAAGGCTCCATGGCGGGGTCCTCTATTCAGAATCCCAGTAACTATAACAAAACCAGTAGTTGT
GGTGGATCGCCCTCCAATAGTTTCTTTTCAAGAATGTCATTTTTACCAGGCCATATAGAGCGGAGGTTCATAG
AGATAACACGTGGTTCTAGTTGGGTTGAAGCAACCATACAACTACAGGATTTGACACGACAAGGAAATTTTT
TATTGACACGGTTCAGATTTTGCCCTCGGGGGGGCCC

>trans_s_4732 XM_002869836|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase, mRNA

AGTCTATGAACAGAGCAGACAAACAATGAAGGCTGTTGTGATTAGCGAACCTGGCGAGGCAGAAAGTTCTTCA
ATTGCAGGAGGTTGATGACCCAATAATCAAGGACGATGAAGTTCTGATCAAGGTTGAAGCCACTGCCCTGAA
CCGAGCCGACACCATAACAGAGGAAAGGCTTCTACCCCCGCCAAGGGCTCTAGTCCCTACCTCGGCCTCGAA
TGCTCTGGGATCATCCAAGCTGTTGGCAAAAACGTTTCCCGCTGGAAAATTGGCGATCAGGTATGTGCTCTTC
TTTCTGGAGGCGGATATGCTGAGAAAGTGGCTGTCCCAGCTGGGCAAGTACTTCCCATTCCGCCTGGTGTTC
CTTGAAGGATGCTGCTAGTCTCCGGAGGTGGCCTGCACCGTTTGGTCCACTGTGTTTATGACAAGTCGATTAT
TGAGAGGAGAGACATTGTTGGTTCATGGAGGTTCAAGTGGAATTGGTACTTTTGCCATTGAGATATCTAAATA
CCAAGGAGCAAAAGTATTCGTTACTGCAGGTAGTGAAGAGAAATTAGCTGTCTGCAAAGACCTTGGAGCAGA
TGTGTGCATCAATTATAAACTGAAGATTTTGTGACGAGT

>trans_s_4733 AY435212|Hevea brasiliensis 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACGGCAATCCCGAAATAACTGGGGAATGGGAGGAGTGGCTTCATCTGTAGTTTTTCTTTTCCCATGTTTGG
GGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATGCATGTGTAAGTATGAACTAATTCAGACTG
TGAAACTGCGAATGGCTCATTAATCAGTTATAGTTTGTGTTGATGGTATCTGCTACTCGGATAACCGTAGTAAT
TCTAGAGCTAATACGTGCAACAAACCCGACTTCTGGAAGGGATGCATTTATTAGATAAAAGGTCGACGCGG

GCTCTGCCC GTT GCTCTGATGATTCATGATAACTCGACGGATCGCACGGCCATCGTGCCGGCGACGCATCATT
CAAATTTCTGCCCTATCAACTTTTCGATGGTAGGATAGTGGCCTACTATGGTGGTGACGGGTGACGGAGAATTA
GGGTTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCTTCACTTCGATCTTG
AATCTTCTTATAATTCATTCATGGCGGCTTTGCCTACTGCTGGTACTTGAATGTTAATGGTAATCTGGTGTGTAT
ATAGATATAAGAGCTTATTGTTTTTGTCTACTGCATA

>trans_s_4734 AY973615|Manihot esculenta aldo/keto reductase AKR mRNA, complete cds

ACCGGACAACACAGAAAAGGAAAATTCATTAAGTTTTTCGTTTCCAAAAATTTTGCCGGAAAAAAGGCAT
AAAGGTAACCCCATCGACGCAGCCACCAGCTACCAACCACCACTAAATCCGTAGATAAATTAACCCATTTCCC
ATCTCCTTCTTCCACTCCGACCATTTTCTTTCTCCGGCGACCTCATAATGGCTTCTCAAGTTCCTAGAATCAAG
CTCGGTTCTCAAGGCCTCGAAGTGTCCGCACAAGGTCTCGGCTGCATGGGCATGTCCGCCTTCTACGGCCCTC
CCAAGCCCGACTCCGACATGATCGCTTTGATTCACCACGCCAACGACAGCGGCATCACTCTTCTGCACACCTCC
GACATCTACGGCCCGTTCACCAACAAAATCCTCGTCGGTAAGGCTCTCAAGGACGGCTACAGAGACAAGGAC
GAACTTGCCACTAAATTTGCAATTAGTTTCGCCGATGGTAAGAGGGAGATTCTGGAGACCCTGCCTATGTTA
GAGCCGCTTGCAGGGCTAGTTTGAAGCGTCTCGATGTTGACTGCATCGATCTCTATTACCAGCATCGGATTGA
CACCCAGGGTTCGAATGAAGTCACGATTGGGGGAG

>trans_s_4735 NM_001074804|Oryza sativa Japonica Group Os11g0614900 (Os11g0614900)
mRNA, partial cds

CATTACAATCGGCTTCATCCTCCCGATATTTTTTCAGGAAAAAGCTTGAAGAAGACAACGACAAAACCTGAGTG
GCTAGTGCTTCATTATCTATAGCTGCGTGATTACAGGATTTGGATTTCGGAGGAGAAAGATGTGGGGATTTG
GAGGAAGGTATTACTGGGGAAGAAGAGAACGAGTCGGGAAAGTTGAAGGGATTGTGGTGGCGTTTCGCATG
GATGTCTAGTCAGGAGAGGCACCTTGAAACGATATGTGGATATGTATTCTCTCTGGGTGGAATCACTCGTT
TGCCATTCTCAATTCCTCAATATGTTTTTCCCCGATAAGGCTGCATCTCTGGCATTGACATTCTTAAAGTACTA
ATCGAGGAGCTAAAAATAAAGAGATGCCCCATAGTATTTGCGTCTTTTTCTGGTGGGCCTAAAGCATGCATGT
ATAAGGTTCTCCAGATAATCGAGAGATATCATGAATCGCAACAACATAGTTCGGATGATTATCAACTGGTCAG
GGACTGTATTGCTGGCTATATTTATGATTCCAGTCCAGTTGATTTTACCAGCGACTTGGGAACTCGATTTATTCT
TCATCCAACCTGTGATGAAAGCATCCCAACCACCAAGTTA

>trans_s_4736 HM122635|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR10)
mRNA, complete cds

CGGCGGCGGCTCAGGTGTCAAGCTCTTTGGGGTTAGGCTCACCGACGGCTCTTTCATCAAGAAAAGCGCCAG
CATGGGTAACCTCTCTGTACATTACCATAGTTCTTCTTCCGCCGCCCTCTCCGAATCCCGACTCTCCTAACTC
CGATCCCGTTCATGATTCCGATGGCTTTTTATCCGATGATCCTGCCCATGCATCCTGCTCCGCTAATCGCCGGG
CTGAAAGGAAGAAAGGTGTTCCATGGACAGAGGAGGAGCATCGATTGTTCTTAGTTGGTCTTCAGAACTGG
GGAAAGGAGACTGGCGTGGGATTTCTCGGAATTTGTTATTACAAGAACTCCAACCCAGGTGGCAAGCCATG
CTCAGAAGTATTTCATACGACAGAGTAATGCAACAAGAAGAAAGCGGAGATCGAGCCTTTTTGACATGGTTCC
TGAAATGGCAACTGATCCGCTCCCTGTGCCAGATTATGAGATTTTACATGCTTCTCAGACAAAAGATACAGATA
ACTCAAGTTCACTTCCTTCACTAAATCTCTCAGTTACTTCTGAGTTCCATATGATGGAACTACAGTAAAAGATA
ATGGAGCTGAACACGATGCACACTGTATGGAAGTTG

>trans_s_4737 BT030339|Arabidopsis thaliana At2g16940 mRNA, complete cds

ATTGTGAAACTTAAAGCCAAGCCAACCAATACTTCTCTCCAGAAACCCCTTCAAAAAACCTAGAAATTCTC
AATTCCTCGAAATTTTCATCCCAGCTTAGCTTCCCTGATTTTCTTCCAACACGAATTCGGCGGAGATCTCAAGCT

AAAAGGGTGGGATGAAATCATATGAATTAGATAGTTCAGACCCATTTTGGGTGGCAAATGGATCTTTGGAGTT
TCCAGAAGTTGCAGTGGAGATTGAGACTCAGTTGAATAAGTATAAAAAGGATGTTGATGAGGTGAATAGAAG
AACTGGTGGTACTGATGGAGCTGAGTTTGATGGAACTGATTTGATTGGGAACACAAAGCATTGATGAATGC
AGTGAACTCATTGCCAGAATTGACTGAAAGGAAGCAAGTTATTGATAAGCATACAAACATTGCTACAGTATTA
TTAGGTGCGATCAAGGACAGGTCACTTGATTCATATGCTAAAAAGGAGAATGACATGATGGTCAGAGGAGGG
ATCGATAGAAATGAACTCTTGAGTGTACTCAAAGGGAAGGGTACTAAAACGGATAAGCTCCGATTTGCTGTTA
TATATCTCATCTCTTCTGAACTTTAAATCCATCTGAAGTTGAAGCTGTGGAAGCTGCTCTGAGGGAATCAGAG
GTTGATACCAGTGCATTTCAATATGTCAAGAAAATCAAGTCTTTGAATGCCTCATTCTCATCAGCAAATTCAGC
TAGCAGAAGCAACCTTGTGGATTGGGCTGAAAACTATA

>trans_s_4742 NM_124156|Arabidopsis thaliana FRA1 (FRAGILE FIBER 1); microtubule motor
(FRA1) mRNA, complete cds

AAACACTTTGCTGATGAATTGAGTGGTCCTTTGTCTCCAATGTCAGTACCAGCCCCTAAGCAACTCAAGTATAC
AGCAGGAATTGCCAATGGCTCTGTTAGAGATTCTGCTGCAACTCTAGATCATGCACGAAAGATGGTACCAATA
GGACACTTATCAATGAAGAAGTTAGCAACAGTAGGACAAGCTGGAAAACTATGGAGATGGAAGAGAAGTCA
TCACCAATGGCTATTACAATTTAAATGGAAGTGGCAGAAACCATGGAGACTTTCAGAATGGATCAGGCATAGT
GATGAAACAATAATGAGATCAAGGCCTCGACCACATGCGCTGCTGCTGGGATGTGATATTTGGTGGTTTCGG
GTTTATTGTCCCCCAAATATCATTGACTTTCAACTATGATTCCACCTCATGTCACAGGAACAAATTGCAATAAGT
GCAGGTACATACTCAAAAATCAATTTGAGTAGGTTAAATCCTGATCATATTCAATAGATCCATTGGTAGATTG
CATTTACAGTTTTTGTGATTGGATGCTAGACTGACCTGAACTGCTATCTTTTTATATTTAACGACATCTGATTC
ATCCATTTTTATCTACTTGAACCTGACATGACCT

>trans_s_4743 NM_001065710|Oryza sativa Japonica Group Os07g0211800 (Os07g0211800)
mRNA, complete cds

AGTATAGAGCAACTCTTCCTGAAACAGCAGCCACGATTGACTTAGCTTCAACTATGATAAGTGAAGGCAGAGG
ATTAGATCTTATGCCAAGAGAGGCAGATCCATCTTCTCCAATAACTGCCACTAGGTATTATTCCTTTGCTCGTA
CATGGGGGATGATGATATGTTGAGCTCTGACCTTAGCGATGACCAACTGAAATTGAGACTTGGGCACATGGCT
AACACACCATGTCAGGTTATCTTTCCATGGGAGACGAATATGTGCCAGACTATGTGGACAAGAAGTCATTGG
TTGATAGATTATGCAAAGCAATGGGAGGTGCAGAGAAAGTTGAAATTGAACATGGGAATCATTCTCTCTCCAA
CAGAGTTAATGAAGCAGTTGAGGTCATAGTTGATTTTGTAAAGAGGGAGGGTCCTAAGGGGTGGGATGATCC
ATGGCATTAGTAATGTTCAATTCTTCTGTCTTCTCCTCCGCTGTCCCCCTTGTGATGTGTTTTCTTAAATTTTTTA
ATGTATTAATTATATTTTCTTCTTCTTCCACATTTAATTTAACATATCTCCAAATTGAGGTGGGTTTGATCC
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4744 XM_002319153|Populus trichocarpa cationic amino acid transporter (PtrCAT2),
mRNA

ATCCCCATTTCTTCCAGCCGCAGCTATACGAGGGAAGGGTCTCCTTCTTTCATTAGTTCATATATATTCCCTA
TTTTTTCTTTCAATTTTGACACCCATATACAAAAGAAGAGAAGAGAAGGTACGTTTTTTTATTTCTT
TTGGAACTGCCCGCTCCCCATCTTAGTCCAAGAAGAATCGCTCCAAATTTCTTTTGGGGTTTGTTCCTTG
ATTTGGGAATGCGGGTAGATTTCTCCATCTGGGTTTAGCGTATTTTCAATACATGTATTGAATTATTGGCTTCT
GTTTCGTCATTTTCTTTGGATAATTATTGTAATCTTAAGGTGAAGGGGTAAAAAAGCGAAAACAGGGGATT
TTTTATGGGTTTCTTGGGTTCTTCTGGAGAAGAGACGGGAAGGGGGGACAGAGTTCAAGGGTTGGTTTCA
AAGCATTAATAAGGAGGAAACAGGTTGATTCTGCCAATTCTTCATCTTCTTCTTCATCAGGACATCATCAAT

TAACCAAAGAGTTATCGGTTCTCACCTTATTTCAATAGGAGTTGGGGCTACTATTGGAGCTGGAGTGTATATT
CTTGTTGGAAGTGGTGCCAGAGAACAT

>trans_s_4745 Novel Gene

GTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTATCGAAAACGAAAGCGCACA
CTCTCAAGTGCTGAGAAAGGTGTCAGCAGGTGCGCGGAGCCGGAGCCCGCTCGCCCGCTGGGCCGAGTCA
AAGCCCCTTCAGAGTCAAAGCCTTTAGATAACAAAAAAGGTGTCCGCCCCCACGTAGCGGTGCGCAAACG
GAGACGAGAGTTTCGCCTTTCGGCCGCGCCAGTCGCGTAGGGCGACCGGACCAGGCCGAGTCAGAAAGGCT
TTGATGACTCAAGGTGAATCCACGGAGCGGGAAGGAGAGTGAGGGGAAGAGGGGGCTGCCCTCGGCCC
GATCATCTATTCTGCTCCAACAGACAGGCATGGTTCTGTAGTCAAAGCTACTTCGTCACTTTCGTGTACCCATC
GGACGGCAGCCCTTTCGGGGGTTCTTAGGGACCGATTCACTCTGCGTAGATTGACTGAACGCAGAAAGCCTT
CCACTGGCAGGCGATCGTGTTCACAGGATTTCTCGTTACTCATGTCAGCATTCTCACTTCTGATATCTCCAG
GTCTTGTACCAAAAAACCTTCCCCGATTGACAGAACGTCCC

>trans_s_4746 NM_001070212|Oryza sativa Japonica Group Os09g0517000 (Os09g0517000)
mRNA, complete cds

ACAAAAGAAGAGAAGAAAAATAGTCTCTTCTATTCTAATATCGTAACTCCACATGGTAATGTGAGATTGAG
AAACAATGGCACATTTCACTATCTTCTATATCGGCCACAGCCAATGTCACAGCCACCATTTACGCTCTATCCGTT
TCAGCAACACACAATGTTCTATCATAGGCTTCAAATCCACAAGCTCGCAGCAACGCTTGCAATGAATCCGAA
CCTAGCAATCTCATCTCACGCAGAAACTGCCTTGATCTTGACAGGGGTAATGCTGGGAGTGAATGTGGTTG
ACCGGAGTGCGGAGGCAGCGCAAGAAGGCCGCCACCTCCACCGAAAGAGAAGAAGGACCCCAATCTG
AGTGGGGTTCAGGCAAAAGTGCTAGCTAGTAAAAAGAGAAAGGAAGCCCTTAAAGAAGCTACAGCTAAGCT
AAGAGCGAAAGGGAAACCTGTTGACCAGCCACCACCTGAATAATTTATGTGAATCCAACTTTTTGATGTTTT
CGCATTTCTCCCGTCGGATATATGTTAATCCACCTGAATAAAGAGTGCATATTTATATTAACAACTCTAATCTTC
GTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4747 NM_117152|Arabidopsis thaliana kinesin light chain-related (AT4G10840) mRNA,
complete cds

AGTGTGGCAACTGTCATCAAGATACCATTGGAGTATATAGCAACCTCGCCGCAACCTATGATGCTATGGGAAG
AGTCGATGATGCTATCGAAATATTGGAATCTGTTCTTAAGTTGAGAGAAGAGAAGCTTGGAATTGCGAATCCA
GATTTTGAGGACGAAAAGAGGAGACTGGCTGAACTGCTGAAGGAAGCAGGCCGAACCCAAAACCGGAAAGC
AAAGTCTCTGAAAATCTCATTGATCCGAACCTAGGAAAACAAAGAAAGAGACGACGAACAAGTGGTCGGG
CTTGGGATTTAGAATTTGAATGGAAAATCTCCTTGAATATTGAATCTGCTTTACTGATCCAACATTGCACATTC
TGTAACATATAAGATCATGTATAGAGTTGATTTAATTTTTCTTTTCCAATTGGAGCAAGCCCATCTTCTTTTC
TTTATGAACTGAACTCATTTATTGTTCTCTCTTTGTGCTGTTAATTGTTAATTGAATGTCTGTGCCTGTAA
GGCTGTTAATGGAGAAAGAAAACATTTGATCTTTGATTGAATAAGATTATGAAAGAATGTTTTCTGCGTAAAG
ATAAAAATAGATAAAGCAAACAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4748 AF262997|Ricinus communis NADP-dependent malic protein mRNA, complete cds;
nuclear gene for leucoplast product

CGGAAGCTTTGGCGTCACAAGTGTCCTCAAGAAGATTCGACAAAGGACTCATCTATCTCCATTTACCAACATC
AGAAAGATTTGAGCATATTGCTGCCAGTGTTGCTGCAAAAGCTTATGAACTTGGTGATCTTCAACTCTATT
TCCCTTCCCTATTCCCAAACCTTTTAAACAGTTCCAATTTGCTAATCATCTCCCATTTCAAATTCTGTCTTGTA
GGTTTGGCCACTCGCTCCCTCAACCTAAAGATCTGGTGAAATATGCTGAGAGCTGTATGTACAGTCCTAGCTA

TCAAAATTACCGGTAGATTAGTGTTGTTACTCTGCTGTAGCTACATCGCATTGTTGTTTATTTTCCAATAATGT
TTTTCTATTGTATTATTTTCTTTATGTTATGTAAGTTATTTGGTGATTTAGAAATGAGCTATAGTTTGCAGTAGG
TGTGAAAAAATGAGAAAAGAAAAAAGTAGAAAAAGAACTCATACAAGTTTTTCATGAAATTGAAT
GGAAACTTGTGCTCAAAATCTGAAGGATTCATGACTTGTTGTTGAAGTATATTACAGGTTTCTTGGCTAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4749 XM_001698460|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GATCGAAGCTTAATTGTGAGAGGAATTATATAGATATCCAATATATATAAAATATATCATCAAATTAGTTTATA
ATTTGAAAGATGACTCTTGATTGGGGATTATTGGCGGCCTTCAAATTGAAGCTTCAGTGCAGAACTAATTG
TTGACGTAATTATCCGCTTGCTTAATCATATTCGGCTTGACTTAGAATTGATGCCGAAATTGAAGGTGTT
GTGGATGTTGTGTGTGAGGGTGGGCTAGGTGGCAAAATATATATCCTTAAGTTGAAGATAAAGGTCAGGGTT
GGTGATGTTTATGTTAGTAAGTTGGCTGTGGTTAAAGTCAATTGTCCACTCCTCGGCATTCCATACCTTGTCTCT
TTCGAGTATGTTGAAGAAATCAACATCTAAAAACCAAGAAATCATGCTATGTATAATGAAATGGTGCTTTCTT
ATGCATCATTTTCATCTCTTATATATATCCATCAATAAATATAGAAAACCTCTCTTCAAGAATGCAGTAGGGAT
ATTTAAGTTTATACTATATTTCTACTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
ACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4750 NM_001057947|Oryza sativa Japonica Group Os03g0772800 (Os03g0772800)
mRNA, complete cds

TAAGGGTCTGGTCATTTCTGTTGACTCGGCAATTTGTGAGAGAGAATCAAAGAGAAAATGGCAATGGCGTCGA
TCCGATCCAATTTTCTTCGCGCCGCCCTACGCGGTGCCTCTCGAACTCCGTTCAAGCTAAACGCGGCTTTGCTT
CCTCTGCTCACGACGACGCTCGTGAAACGGCAAGTGGGAGAAGATTACTTATGCTGGCATTGTAACCTGCTC
TATTTTAGCATTCTATAATTTATCAAAGGGGACCCCCACCATGAAGAGCCCCCTGCATATCCATATTTGCACAT
TCGCAATAAAGAGTTCCCTTGGGGTCTGATGGTCTCTTTGAGGTGAAGCACCACTAAGGATTACTTTTGGGT
TCAAAGCGCATCAGAGTTCTCATTCTGTTCCATATCAGAAAAGACTTCATGGACTGGTTGGTTTAGATTTTTTC
TCTGCAAAGGAAAAGCCATGGCATGGCCATTTTGATTTGTTAAAATGCTATCAGAAATATTATGTGAATCATG
GTTTGAAGTTCTTTTTTTGTACAGCCTTCCTCCTGATTAATAAGATAAAATTTCTTCCCATTGTGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4751 AY108581|Zea mays PCO073553 mRNA sequence

ATCGGAATATCAGGCGGTTCATCTTTAACCGACCTCTCTTTCTGCCAATACAGAGTGTGTTCTTCCGCCATGGC
TTCCACTTCTAGGGATCCAGCTCCGCCCTACGCCAGTGCTGCTAGAAATTTCCGATTCTCCTTGCTATCCTCAGTA
CAGCGCTTCCCTCAAATGTCTTGAGGTAAATAGCTCAGAGAAGAGCAAATGTCAAGAACATTTTCGATGTTTAC
AAGGAATGCAAGAAGAAAGAGCGGGAAGCTCGGTTGGAACGCAACAAGACACGGTCTTTCTTCTCATGAAAT
TATCTTCAGGCATTTTTCTTGATGTTAAAGTATGTATGCTTTTCATGCAATCTACTAACCTCCCACCACTTTCTAT
TCTATTCAATGATGATTATCGATTGCATGTTTCATTTGGTGAATAATTCTATGAAATGTCTACCCACACTTTTAGG
TCTTTTTTCTTAACTTCAGAAATGTTTAGGATTATGTTGCGTAGGCTATTTTACCTCATGTACTAAAAGAGGAA
AATTGTTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4752 XM_002884159|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EDA27/NOP10, mRNA

GAACAGCCGCCCTTGGTCCCTAACTCCCCTTCGCGCTCCCCGCGATCGTCCCTGTACCCTCGCCCTTCGTCTT
GCACGACGTGCGACCTCTGTTTCATCTCGTTGAGTGTCTATCAACGATGTATCTTCAGTTTTACATAAACGACAAT
GGTGATAAAGTCTACACCACAAAGAAGGAATCTCCTCTAGGTTTGGCTACACAATCTGCTCATCCAGCTCGTTT

CTCCCCGATGACAAATATTCGAGGCAAAGAGTTCTACTTAAGAAGCGATTTGGCTTGCTTCCTACACAGCAG
CCACCTCCAAAGTACTGAACTCAACGCACTCTCAAATTACAATTCTATGGCAGTTCTCAAGTGTGTTTGTTC
AAACCCCATCAATAGTTAGATCGTGACTTTGTAACTTTGATAGATAGTTTGCCTTTCTTTCTGTGGCTTGT
AATTGAGCTGTAAAGCACAATTCAGTGTGAACCTTTCTTAAGCTTGTCAATGGCTTTATGTTTGTATTGAACT
TTATTTTACTGAAAGCAAACCTATCTACTTTGAAGATCTGGTTTTAATGCAAGATAATGGGCCTTTTTCATAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4753 NM_001035673|Arabidopsis thaliana KINESIN-12B; microtubule motor/ plus-end-
directed microtubule motor (KINESIN-12B) mRNA, complete cds

ATTTCTAATTTCTTCATCTTTCTTCTCAACGGCAACTATCTCCCCCTCTTACCCCCCTCTCCGCCTCCCCTTCTCTC
TCGATCTCTTGTCTCCTTCGTCTTCCTCAGAATCTTCACTCTTCCTTTCTCTCAATTTCTATTCTCTAAAATGAAGC
ATCCACCCAAGAAACCCTATCTTGCTAAATACCCATCTCGCCGATCCACTGCCATTTTCTATTCCATGCGCTAAC
GGCGCCGGAATCAAGGGCGGAAGACCCCTAGGAAACCTATGTCGTCTTCCAAAGAAAATGCTTCACCGTCAG
ATCCCAAATTCAAACTCCATGGTTCCCGATTCCAAACCCTCGCCGACTAAGTTGAAGAGCCTGCTCCATCTTCT
AACCCACTTAAGCGGAAGCTCAGTATGGAGACCGTTCGGGAGAATTCCATCCCTGGGTTGTCTGATTCTGTTG
TTAAGATTAGAGAAGATGTAAATCTGGTGTAGAAAATTAACAGAGGAGTGTGTATCCACAATGGCAGCCG
TACTCGGCTTCTAATGAAGGTTTTATCTTCTCGTGCTAATATGCGCACCTGAGTGCACCCCTATNCCTGCAA
CCGTGTACTAAAAAAGTTGCAG

>trans_s_4754 X98539|F.sylvatica mRNA for GRPF1 protein

AAGCATCGGACCAATGATCATCCACATCCCATCTTCAAATACTTTTCATTGTTCTATTTGCAAAGAAAAAATGA
ATTCCAAGCCTTTCATCCTCCTCGGTCTTCTGTTGCGCATCGTCGTCTTTGTTCAATGGATGTAAACACGGTTA
CGGCTAGGGATGTAAATTTCAAAGAAGCTATTATGGAACTGATGAACTTGATGACGATGTCAACCGCCATG
GTTATGGAGGAGGACACGCTAGAATCCTCCAACAATGCCTCCATGGTTGCAACACCGGTTGTTGTGGCTGCGT
CCGCGGTGCTTGCGTCCGGTGCTGCTAGATTGGCTGGTGAGACCGTGGTTGATATAGAAACCTCAAGATAAA
CGTGTGTTTGTGCTTCAAATAATGGCTTTGATTTCTCAAGTTGATATGTATAAAATATATGTTTACAGTTTAATG
TTTTTAAGTAATGAATAAATGCTTTCTTAAATAGGAAAAAGAATTAGGTGATGAACAAATGCATATGCTTGA
AATTGATGGTGTGTTTAGAACTTCTAAGTAAATTCGAGTTGAGATATAAATTTAAGTAAATTAATTAATGC
TACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4755 AY042829|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T3M22.5) mRNA, complete cds

ATCTAGAACCTGGTCAGAGTTCAGTTGTTGAAGCAAAAAATGGTTCTCAAGTACTCATTAAAGCCACTGCCGG
ACCACTACTAGGTCCTCCTTGGCAGCGTCCTGAGAACGGGTATCTTGTTGTTTCTCCCCAAGGCCAGCTGACTC
TTTATTATGAACCTCATTGCTCTTACGACAAGGAATTTTGGGGAAAGAAAGGGCTGATATTGTCATCACACCT
GTGATAAAGCAGCTTCTCCCTATTTTACTCTCGTTTCTGGACAAGAAGATGCAGTTCAGCTTGCAAAGCTACT
GCATGCAAAATTCATCGTGCCAATGAATAATGGAGATATGGATAGCAAAGGGCTTCTTGCAAGCTTAATCAGT
GCGGAAGGGACAATTGGATCTTTCAAGGAATTATTGTCAAGGGAGCTTCCAGAGGCAGTTGTCTTGGAGCCT
ACACCTGGGGTACCACCTAACATTCTCCATCTTCAGATCAAGCGTGAGTACCTGGTTTTTCAATAATGAAAC
TCACCTTTTGAATGTATACAATTTATTCATGATGATGGAATCTAGTGAAGCCTGGTTTTTTCCAGCATTAAATCG
GTTTCATAGTAAAGGAAAGATTCTACTTC

>trans_s_4756 NM_119751|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT4G35850) mRNA, complete cds

GAGAGTGAGCTTCATTTCTCGTCGCTCCGTCTATCGATTTCAAGTGTCAATGAAGCTCCTTCAATCTGTCGCCGG
TCAAAGCCGCTCGCTTGTCCGTTTTCTTGGACAGCGTCGATCTTTTGTCTTTCTACGGAAGAGTACAGAAAAC
GGAATTACGCTGATAATGTTCCGAGTACAAAACCGTTATTGCCTCCCTCACTTCCCAGAGAAGGTACTTCTCA
TTGAGGGATGTGTATGACGATATGATGTTGGATGGAGTGCAGCCTACAATGGACGTTTTCCACTTACTGATAA
CTGGAACCATGAAAGGCGCTCGTTTTCCAACATGCTTTTTCTTCAGGGATGAAATGAAGGCCATGGGTTTGAT
TCCTGATGTTAGTCTGTATAACATGCTGATCTCATTATGTGGTAAATGTAACAACTCTGAAGAGGCTGTCCGGA
TCTTAGATGAGATGAGGAGATATGAAGTGAAGCCAAATTCACAGACGTACATCTGTCTACTTAATGCTTGTGC
AGCTGCTGGTAGATTAGATCGCGTGTATACGATTGTCAGAGATATGACTTCTGCTGGCCTTGGCTTAAACAAG
TTCTGCTATGCTGGACTTATAGCTGCACATA

>trans_s_4757 NM_129258|Arabidopsis thaliana DNA binding / sequence-specific DNA binding
(AT2G37020) mRNA, complete cds

CCTCCAATTCATTGCTGTTTCTCGTCTTCCACTGCGGATCAGCCGTCACCGTTTCGACCCGTACTTCTTCATTCTGT
TCCTCTTCCACCATGGCTGGCACTAACGCCGACCCGACGCCCTTGCCTCATCTTCTCGGTGGAGAAGCAATT
CGAGCATTTCAAGAGCTCAACTTCAAGATTCTGGAAGCTTACGTGACCGCATTGGAAGTGTGGCTATGGAGATC
GAGTCTCCACGAGGTTGATACAGGCCAGCTTGCTTCTGGTTCATCAGTCTCGTCTCACTCCTGAGGTTCTTGA
GAAGCCAAAAGCGCAGGTTGGTTTATTGAAGTCGTTCTACAAGCAACTTGCTGAAATTCTTCGCGAGAGCCCT
GGTCTTTACTATAGGTATCACGGAGACTGGAGGAGTGAGACACAGACAGCTGTTTCGTTGCTTGCTTTTATTC
ATTGGCTAGAAACGGGAGAACTTCTTCTGCACCCCGAAGCCGAGGAAAAAATTGGGCTAAATGAATCTGACTT
CAATTTGGATGTTGAAGACTATCTTATTGGAATATGTTTCATGTCCAATGAATTGCCACGATATGTTGTCAACC
AAGTGACAGTTGGAGACTATGATTGTCCA

>trans_s_4758 U95008|Lycopersicon esculentum Rb7 (RB7) gene, partial cds

CCCATACTCTGACAAACAAGTCGAGAAACCGAGCCCCAAAAATGGGTAGTCGTTCTTCGTTTAGTGGACTAAC
AATGGTGGTGGTGATGATGTTGATAACCATCTTCTGTTCCAGCCACAGCTGCAGAGGTTTCGGTTCTGATCAAG
GCCAACGCCACGTACGACGTCGTGATGACCGAAGAGTTGCTGATCTACCCTGATATCAATCGGTATCTCATGT
TCAAAGGTGTCGATGCAAAGACAGGTAAGACCAATGACAAAAACGTCGTAGCTTGCGGTAATGGCGCTGGAA
ATAGCTTTGCTGGATGTAGTGGAAGCACCAGCAATAAAAAGAAATGCAATGCATACAAAGGCCCCAAAGCTT
GCTAATAATAATCCCTTCAATAATTATTTATGATTTTTGGTGTGGTGGTGTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG
TATATAATATGAACGAAATGAAATGACTCATCTTCTTTCTTCTTCAATCTCTCAATCATATCCCCACATAT
CTATGAAGTACGAACCTTTTGTATGCAAGATTGTTTTGAAATTTAATATACATTCAAGATTGTTACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4759 NM_001060598|Oryza sativa Japonica Group Os04g0645100 (Os04g0645100)
mRNA, partial cds

ACTATCATCAATCACAGAATTCATGATAAAGATCAATCGATCGATTCAAGATTATATTCTGACCTTACATACA
GGGACCACGCTCACGACGTCGTTTCTCCGGAACGGATTCGGGCATTCCAAATCGAAATCTCTCGGCGCCAATT
CCAGCCCTACCTTGTGACAGATCCCTCGAAGAATCGACAGCTTCTCAAGTGTGGGAACCTCGTTGCTCAATCTC
CACTCGAATCTCTTCTTAAAGATGTTTGAAGCCATTGCAAGTCTCAGAGCTCCGTCTTCGTTTACGTTGTTGTTG
TTGTTGTTGTTGTTGTTGTTCTCGTCGTCTTCTGATCCGTAGCTTCCGAGGAGGAAGTTCAGGGAGGAGGCTAT
TACGGCGGATAGATCTGCGGTGTTCTACGGCGGCGATTACGGCTTTGATTACGTGCTTGAAGGCTCGAATT
ACCATCTCGTGAATGCATAGTGCTTGTATGTGTGGAAGCTTCTCCGCTAACTCCACCTAAATCCCATATTAATCA
ACATTATCATAACTTTTAGGTTTGTCTTCTAAAGTTTTTGTCTTAATTTTTTGAAGAAGAAATTCTCAGCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4760 AB218785|Prunus mume Pm52 mRNA, complete cds

GGAAACGAATCCGGAGGTTGAAGACGATGGCGAAATTCATGTAGTTCAGAAGCAAAGACGGGCTGTTAGA
GCTCAGATAAAGAGAGACGCCCATGGTGATCCTTTGACCAAGAAGCTCAAGATCAAGCAACAGCCTACTTATG
TATCCAACAAGCGTAAGCGCAAATTGATGAAGAAAAAACGCAGAGAAGAGAAGGAAGCTTTACAGATGGGT
CTCACGAACATGGAAGATGTTGAAATGGCTGTTGCTGAAGAACTTAAAAACACCAACCGGACGTCCACCAAGT
TCCATGTGAAGAAGAGTGTAAGGCTCAGGCAATTAAGGAGCAAAGGCAAGAAGAATAAAGGGAAATCTTCTT
CAAGTTCGGGTTCTACAGCATCAGGCGATGCTATGGTAGAGTAAATTAGGTTGAAGAAAGCCGTTTTGTTG
TTTTTATTTGTTTTGAATGTCAATACTTCTTCTGTTGTAACATCATATTTTAGGTCGTATTAAGTGCAATTATCT
GTAGTTTGGAGGAAAAGATTCTAACTGGAAGTTAAGATATTTGATTGAACCCTAAAATGATGAAGATGTAGAT
TTCTTAGATACAAAAAGAAAATCGATTTTTTTTTTAC

>trans_s_4761 GU991539|Nicotiana tabacum RNA-binding glycine-rich protein (RGP-2) mRNA,
complete cds

AAAGGCTGACGGAAACGTTCAACAAGTATGGGGAAGTAGTTGAAGCGAGAGTGATTACGGATCGTGACTCT
GGTAGATCAAGAGTTTTTGGGTTTGCTACTTTCGGTGCCAGTGAAGACGCTTCTAGTGCTATTCAAGCTTTGG
ATGGACAGGATCTCGATGGTCGTCGATTAGATGCAGCTATGCTACTGAAAGATCTAGTGGTGGAGGTGGTT
ATGGAGGTGGTGGTGGCTATGGCGGTGGTGGCTACAGTGGAGGTGGTGGTGGTTATGGCGGTGGCGGCTAT
GGCGGCGGTGGCTATGGCGGCGGTAGCAATGGCTTTGGTGACAAGGCTTGAAGGAACTTATCTAATATTTCA
ACAAATGGGCTTTTTAAGTGAATGTCTATGCTTCGTTGTACCGCCGGATTATATATTTTGTCTATGTTCTTCAA
TTTTGAAGATAATTCGTTACGATTGGAATTGTTAGTGCCGTTGCGTAGGATTTGAGAATTAAATGGACTACCC
CTTCCTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAATAAGAGAAAACAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAA
ATTCGAAACCAAAATAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4762 XM_002310372|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription
factor (ERF45), mRNA

ATCCCCAAATCAGTGTAAATCAAAACAACATACACATCTCCTTCAACCACTCCTTTTTTCATCTAACCACCGCCAT
GGTTGCCAAGGAAAAATCTCCCCAACAACTTCTTCTTTTCCAACAACAATGGTAAAGATCTTCATTTCCG
TGGCGTTTCGTAAAGAGGCCTTGGGGCCGATACGCCGCCGAGATCCGTGATCCCGGCAAGAAAAGCCGCGTTTG
GCTCGGTACCTTCGACACCGCCGAGGAGGCGGCACGTGCTTACGACACTGCCGCCCCGTGAGTTTCGTGGCGCT
AAGGCTAAAACCAACTTCCCTCCTCCTGACGAGTTGATCGACGTTTCTCCTCACAAGATCAACCAAAGTCCTAG
TCCTAGCAGCACCGTCGACTCCTTCTCCTCCTCAGCCATGAAAAACCCCCCTCCCGGAGATCTCCGAAGCT
ACGGCGTTGGAAGAACTTTTCATTCAATCAACCTCAGTTTTTGCATGAGGGCGGCGGCAGCGTTTCGTCCAGT
TTTGTTCTGACGTTTTTGAAGAAACGAAATTCGAAGCTCATGGTTATCCTAACAGATCAAACCGGCAACTG
TGGATTTGACGTCAAGGTTCAACGGTGG

>trans_s_4763 FJ362595|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L39 (RPL39C) mRNA, complete cds

AGCAACATTGTTTTAGCGGTTACATAAAAAGGCCATCTCCTCTTTCATTTGTTTTCTCTGAAATTAGGGTTTCC
GTTCTTTTGTTCGCTGTTGGTGGCCCTCGTCGCAGCCGTTGCCGAATCTCCAAGATGCCGTCTACAAGACC
TTCAGAATCAAGAAGAAGTTGGCGAAGAAGATGAGACAGAACAGGCCTATTCTCACTGGATCCGTCTTAGG
ACTGATAATACCATCAGGTACAATGCGAAGCGAAGGCACTGGCGCCGCACCAAGCTCGGATTCTGAGGTGCT
TTGCTTGTGATTTTCTTTCATCCTTGGCAATTGTTTTGAACCTGTTTAAGCTTTAGTTATGGAGAAGACGAAGA
ATATAGAGCTAGATTTTTGAATTTTTGCCTCTCAATAAAACTTGTCAAAGAGACCCGTGTAGTTTATAGGCT
TCTGTGCTAAATTTATGTCTGAAGTGATCGTCATTGGACGGTTAATCTCGTGTTGTTTTGTTAATACTATTCT

AGTTCAGTTTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4764 Novel Gene

AAAACATTCTCTCTCTCATTTCCACAATCACTACAGCCCTCATCCCCTCTTCCATGGCAAAGCCGGTCCTCTCT
AATCTTAGCTCCTGGATCGAGGTCGCTCCTCCCCCTCTATTTCTCCTTCCAAATCCTCCAATTCTCCTTCCTTGG
ATACTATTCTGAACACGATTCCGAAGATACTTCTGATTAGCTATTTTAATTTTCTCCTCTCTCTTCATTTAGAT
CTCTCATTATATATATTTCTCCAATTCTCCTTTCGGATCTGTGAGAATATATATTGAATGGAATATGGAGTCTCC
ATTATAATTGTTACGGCTTTCAATTTTAATTTTCCATTTTCTTTCTTACTTGAATTTACATTGTGTATATATATG
TTCATATTGCGTCGCAGTTGATTTGTATTACCAATTTTACGCGATGATGGAATATTCCTTCTTATTTATACAAAGT
TCAAACCTTCTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCGAAAAAC
TTATCAATACCCCCAACCCCA

>trans_s_4765 XM_002877177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPase subunit 9, mRNA

GATCTTATTCGTATTCTGATCGAAAAGGTTTCAGTCTCACATCTTGAACATCAGAAAGCCGTCCCTCTTCCTATG
GTCGAGCTACTTCCGTCCCTCATCTGGAGCTTTTTCTTCTCCATATTCACCTGTGTCCTTATTCAATGAGCTTCG
ATCATTCTTTGACTTTATTCATTGATTCAGTCGAGACCTCTGGAACCTCGTCCGGAGTCATTTATTGTCCTTATC
AATTTCAACTCCTACTCCGCCTCTATCTGAATTGGTTCTACGTAGCTTAGAATCTCCGAAGGACAGGTGAATAT
GGATTTAGACTCCTTCTACGCGGTCCGAAGGCTCAAAGAATTTGAGAAAAAGAAAGTCACTAGAATGAAACT
AAAGAGGACGCTCGACTGAAAGGAGTCCAAGATTCAAGCTGAATCAATGAACAAGGGCTCGACTGAAAGGA
GAGAAGGAGGCTCAATGAAATATGAGTTCGTTCTGTCATTCCACTAGAAAAAAGGATTCCACATTCAAGAGG
ACCGGACAATAGCCTGAGTCGAGTAATGGGAAGCGGGCTAGTCCCCGAAATGCTCGTTCCTCTGACGTTGG
GGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4766 NM_124420|Arabidopsis thaliana ATEXO70F1 (exocyst subunit EXO70 family protein F1); protein binding (ATEXO70F1) mRNA, complete cds

TGGTGCTGAAAATTTGGAGTTAGAACTATGTCACCTTTAGGTCGTCGTTTGTTCATTGATAGCAACACTGG
AGACCAATCTAGAGAGAAAATCCAACTCTATGGTGATGATTCAATACAATATATATTCCTCATGAACAATATA
CAATATATTGTGCAAAAAGTGAAAGATTCTGAGCTTGAAAGCTTTTGGGCGACCGCTGGGTACGGAAGCGC
CGAGGCCAGGTTTCGCATATATGCAACAACTATCTTAGGGCGTCTTGGGGCAAATTATTATCTTTTTTGAAGG
AAGAAGGTACTGGTGGGAGCTCCAACAGTGCTCTGAACTAGCTACTTTGAAGGAAAAATTCAAAAATTTCAA
TGCTGGCTTTGAGGAAATCTATAGAGTTCAGACAGGTTGGAAGGTTCCAGATGCTCAACTACGAGAAGAGCT
CCGAATTTAGTGTCCGCAAAAGCTCTACCTGCTTATCGTGCCTTCTTGGGAAGACATGGAAGTCAGTTAGAG
AATACAAGACATGCTGGGAGGTATATAAAGTACACATCAGATGACTTGGAAGGCTATCTATTGGATTGTTTG
AAGGATCATCTTGTGTTATACATCACTTACGAAG

>trans_s_4767 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CCTCAAGGAGGCAGCGGGGATTCGACTTCCCCTGGGGGTACCACACGAAAAAAGGAAGTTGATCATGGATTA
TCAACAAGCTTGGAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCCGAGCGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTG
GCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCCAATATATCGCGTATCCACCATAAAATGATATAACCTA
TTTGTCTTCTACAGAAATACTTGACTTGATATGAAAGAATAAAAAAAAACTTTTTTTTATTTCATTGACAGATT
GATAATCAATCAATTTTACAATAACGAAAAAATAAATATTAATCCATGCTTCTCACACTAAAGTCCATGTCTCCG
CGCATATCAATCTATTACTTTATTACTCGCGTCTCTGTCTGGTAGAATATGACAATTCGAATCAAAAATCTACAT

AGAAAGGTTTGAAAAGGATAATCGATACAACATATGTTGTACACTTTATTTCCCTGGGATTGTAGTTCAATTGG
TCAGAGCACCGCCCTGTCAAGGCGGAAGCTGCGGGTTCGAGTCCCGTCAGTCCCGATGGATCCCAATCCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4768 NM_179284|Arabidopsis thaliana THA1 (Threonine Aldolase 1); aldehyde-lyase/
threonine aldolase (THA1) mRNA, complete cds

AATATTTAGCTTTATTCGAGATTAAGTTCTGCATATGTATATATCTCATTTTCATGTGTTTAAATTGATCAATAAA
GCTGTTTTTGTGTTTGTATTGTAGAATTTTGCTACTATTGTCATAAAGTTTAAAATTGAAAAGCCGATACGAGTA
AAGCTTATATTTTGTGTTTAAATTATGCGTAGCAGTTAAAAGTACTTCCAATATAGAATGACCCACGCCAATTG
AAGTGCGCAAAGTTTGCCATTGCTTTACTTTTGATTGAGATATATTGCAACTTGCAACTCTTGAGTTATCCATT
TATAAAGATTGATTACTGCAATAGCATAATTGATTAAGATGGTGAGTAATAGAAAGATTGATCTACGTTCTGA
CACGGTGACAAAACCGACCGAGACAATGCGAGCTGCAATGGCGATGGCCGAGGTAGACGATGATGTGTTGG
GTAATGACCCAATTGCCCTCGAGTTAGAAGAAGAGATGGCAAAGATAATGGGAAAAGAAGAAGGGTTATTTG
TACCATCAGGCACGATGGGGAATCTAATAAGTGTCTTGTGCATTGTGAAATTAGAGGGAGTGAAGTGATTGT
TGGAGATAATTCTCATATTCATATATA

>trans_s_4769 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GATTCTTTCTTTTCTATTGATTCTTTCCGATCGAGATGTATGGATCCATGGGCCTATGTGTCTATATAGATCCT
GTTTCATGGATTAACGAAAATGTGCAAAAGCTCTATTTGCCTCTGCCATTCTATGAGTCTCTTCTTTTACGTAT
GGCATCGCCACTCCCTTTGGCAGCATCCACTAATTCGGAAGTTAATTTGAAAGCCATATTCGACCCGGACGTT
TTCGGGATGCCCTAATAACCAACGAATGGCAAGTGCTTTTCTTGTGTGGATCCTATTTCAATGGGAACTTGA
TGAGTTGATCCGCTACACGTCTTGCTTTACTGCTATATCGGGAGTTACTCCACGTATTGCTTGACGTAAAC
AGATAGTGGATTTGTTTCTGCTTTTGTGAATCTTTTTCATGGCTCGATAGATAATTTGATAAGCCAATGATTT
CTTCCATGTTTCAGAATACGGTTAACCAACATGTTAATAATCGATTACGATAAATTGGATCGGATTTTGCAA
TTTTTCTTCTGCAGTACCTCGACGTGACATGAGCGTGAAAGGGGTTCAAGAATAAGTTTTCTTTTATAAGGG
CTAAATCATTTATTTTGGCT

>trans_s_4770 U96925|Vicia faba immunophilin (FKBP12) mRNA, complete cds

AACACAAAGCAGAGGGAGAGAGTTTAGAACCAAAAGCAAAAATGGGAGTAGAGAAAGAGTTGCTGAGATC
TGGAACCGGTCCCAAACCCACCGCCGGACAGTTGGTCACCGTCCACTGCACCGGCTTCGGAAAGAATGGCAA
TTTGTCTGAGAAATTTGGAGCACAAAGGACCCTGGACAGAAGCCTTCTCATTTAAATTTGGTCAAGGCGCA
GTTATAAAAGGTTGGGATGAAGGTGTGCTTGGCATGCAAGTAGGAGAAGTTGCTCGTCTCCGGTGCTCTCCA
GACTATGCTTATGGCCCTAGTGGATTCCCTGCATGGGGCATAACAACCAATTCAGTCTTAGTTTTTGAAATTGA
AGTTCTGAGTGCTCAGTGATCATCTCTTTTAAATTGCAAATGTAGTTTGTTATGAGAAGCTTTGATTTTCTGT
GTTTTTCTTGATGAATAATTGCCATCTATTGCAACATGTTATGTATGTTTAATTTAAGCAAGTTATGATCCTCTT
GGTTATGAAGCTGATTTGGTTTTGGCCTTTATTATACTTCTATTATGACTACATTAACAAGAAGAATTGTTGT
GCCTTAATAATAGTAAGGTTTTGTTTAA

>trans_s_4771 FJ264198|Nicotiana tabacum ubiquitin specific protease 12 (UBP12) mRNA,
complete cds

AGGATTCTGACATCGTCTCCAATCGTTTTTCAGAGGAGAGACATTTATGGTGCTTGGGAACAGTACCTTGGGTT
GGAGCATTGAGACACCACTCCCAAGAGGTCTTATGCTGTCAATCATAACCGTGCCACATATGAGAAACCTGTG
AAAATATACAACCTGAACATAGCCATCTTCTACGAATACTTGAGCCGTATGAAGTCCCCACTTCTTCGAATATGG
AAGAAATGTAGAATATGCAATGAGAGGTGCGTATGAAGAAACAAAGCTCCTATTGAAGCTACTCTCTAGTG

TGTAGTTATAGGAATTCAGTGATATAGTTTTGTTTTCCCTTTCCTTTTTTCGTTTAAAATCGAGCGGGGGAGG
TTAGTTTTTCCTCGGGCATTCTTACTGTTCAATCTTCCATCTGGGGCTCTGCCATTATGTTTTCTAATCAACTCA
TTAAAGCTTCAGCTTTTTTTACAAGTTTGGTGGGTATGAAGGTCTAGTGTAATTTACCAGGTACATAAGCAAC
TTCCTTTTTCTTTCTTTTCCATCTGAGGGGATGTATATTGAGTTTATAGTTGGCAGTGTTTTGTCTCATTCTAT
TATTTTACCCTAATTACCCTATT

>trans_s_4772 XM_002893537|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata esterase/lipase/thioesterase family
protein, mRNA

CGAGTGACATGGGAGAGCTTGAAGGATCGCCTAAACACTGATATGCATGAAGCTTGTCTTCTTATTGACAAAG
AATGCAGGGTGTTACAATCCATGGAAGTCTGATGAAATAATCCCTATCGAAGATGCATTGAGTTTCGATAA
AATCATACAGAACCATAAATTACATGTAGTAGAAGGTGCTAATCATTGTTACACCTCACATCAAACAGAGTTAG
CCTCAATTGTGTTGAATCTCATCAAAACAAGCCTTCTTCCCGTTGATGGTGCAACATTACAGATTTCTGATGG
ATCTTTCATTGGAAATGTCTATGAATTCATTCCATTTTTGGCTTTTGATTGGCCAACATTAATGTTTTCTTTAGG
GGCCGAGTTTTATTGGCCATATGGAGTAGTGGATTGGAAGACATTGCACCTTAGAAAAAAGGGTATTGCATGG
AATTATTCTTGAAGGTTGATCTGTAGCCTTTTATTATTAATGTACTATTTTCATATTCCATTTTACTTTGAATGG
CAATTTCTGTGTATCTAAATCTCAACTTGGGAATAAAATGCTCTTTTAGTAAAGTGAACCTCTTTCACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4773 U64678|Gossypium hirsutum ribosomal protein L44 isoform b (RL44), complete cds

ACTAAATTAGGGTTTCTGGAGCAGGCCTCGTCGACGTCCAGCCGTCATGGTGAACGTTCCCAAGACCAAGAA
GACTTATTGCAAGAGCAAGGAGTGCAGGAAGCATACCTTGACAAGGTTACACAATATAAGAAGGGAAAGG
ATAGTCTTGCTGCACAGGGAAAGCGTAGGTACGATCGCAAGCAATCAGGATATGGAGGTCAGACCAAGCCCC
TGTTTCACAAGAAGGCAAAACGACCAAGAAGATTGTGTTGAGGCTTCAGTGCCAAGGTTGCAACACGTAT
CCCAGCACCTATCAAGAGATGCAAGCACTTCGAAATCGGTGGAGACAAGAAGGGGAAGGGAACCTTCTCTTT
TCTAGACCCTTTGATCAGTTTTTTTATCTTTGTGACAAGATTATTTGTTATTGGAGTTGTTGGAGAATTGCTTTG
TTTTGGTTCAGCAATTAGATCTACATGTGCAACGATACTTTTTAGCTGAACTTTCTTATCTTAATTATTGAATT
CCCAAAATTTGATGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4774 NM_126761|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L5 (RPL5) (AT2G07725)
mRNA, complete cds

ATCTGTTGCTCAAACAGGATCACACCAACGTTATGTAAGTTCCTGGATTGTCTTCAATAAGAGTCGTGCCAAAG
GAACCTATGATTTTCAAGAGAAAAAATGGAAAATTGGCTATGGAGATTCTGTGCGGTCAGAAATTGATACAG
ACAAGGGGTTTCAGAGGAAAGTCCTTTCGATCCAATCCATTCTTGGAGTCAGATAAAGACAAAGGATATGTCA
GTGACCTAGCACGAGAAAGCACTCTCCGAGGGCATGAAATGTCTAATTTTTTTTCAAAATCATTATAGGAATA
GTAATGTCTTTCTTAAATTCTCCGGCCGAAATACGGGAAACTCCATGAAATTCTCGATGGAAACGGAGTTTTT
CGAATCTTCCCGGAACTGGCAGATCATTTGAGATCTTCTAAGACTCTAGGGTTCAATGTGGTCGCCGTCA
CTTCGGCCAAGACACAAGATGAGACTTTACTACTGTGGAGCGGCTTTTTGAAAAAAATGGAATTTGAAAAA
AAGAAAAGATTGAAGCTGAAATCCAATCTTCTTGAATAAAGAACTCGCACACACTAGATTTCTTGGATTCC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4775 Novel Gene

TTATAGTCGACCCGTAGTAGAGCCGAAGTAGGAGCAAGAGCCACAGTAGGAGCAAGTCTCCAAAAGCTA
AATCTTCCAACGGTCCCCTGTAAATCTCGATCAAGGTCTGCTTCCCCCGCACGCTCACGTTCAAATCATCAT

CTCTCTCAGGATCGCGATCAAGATCCAGGTCTCCAGTGCCCAATCGTGAGAAACGTACTAGTAAAAGTCCCAA
AAGGCGTGATGCTAGCAAAAGCCCTAGCAGGAGCAGAAGTAGGAGCAGAAGCAGGAGCCGAAGCAAGAGC
AAAAGCAAGAGCAAGAGTCCTTCTCGATGAAGATGGAGGCCGAGATGTCCATTTCTACATGGATGGAGTGAA
GTTGGAATCAAAGTATTGAACTGTGAACCTGTCAGGAATAGACTCCTATTAGACTTGAAATAGTATCTATGTTT
TGTTTGGACTTTAATGTTTCCGCTATTTTTATAGGATGTTCTCAGGCGAGAGTGAGAGATGCTTGAAATGTTT
CCCCTAATTCACATTCTTAGCTTCTGTGGTTCTTAAAACTTGTGATACTTTTAACATTTTCGTAAAAAAAAAAAA
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4776 NM_122059|Arabidopsis thaliana WAV2 (WAVY GROWTH 2) (WAV2) mRNA,
complete cds

TCCCACTTTAGTTTTCTCTGAACTTTCAAACCCAATTCATCTTTTCAGGTCTTACATCTTCTTTCTTCTTCAAAA
TCTCATGAATTTCCCATTTCCACCGACCCTGAATTTTCAGTTTTCAATTTCAATTTCTCAAATCGGT
GGAAAACGACGGCAACGGGAGAGATCGAGTATGGTTTCTTATGTGAGTGCGTTGCTTTATGGCGTTGGAGGT
TTGGTGGTCGCAGGAATGGCGTTGCTGGTCGCTTTTCAAGAGAGATTGGTTTATGTGCCGGCTCTTCTGGAC
TTACTAAATCTTATGCGATTACACCATCTCGGCTTCGCCTTGTTTATGAGGATGTTTGGCTTCGATCTTCTGATG
GAGTCCGGCTTCACTCGTGGTTCAATAACTCTTCCCGATTGCCGAGGTCTACCATCTTTTTTTCCAAGAAA
ATGCTGGAAATATCGCCATCGTCTTGAATGGTCCGATTATGATACAGAGGTTACAGTGCAATGTTTTCATG
CTTTCATATAGAGGGTATGGAGCAAGTGATGGTTATCCTTCTCAGCATGGAATTACTAGAGATGCTCAGGCTG
GCTTGGATCATCTTTCTCAA

>trans_s_4777 AY107168|Zea mays PCO087750 mRNA sequence

ATTGCACCCACTATGCGATGCCGTTTCCCTATCCTTTACCACTAATAGAATAATCTCTGTACAGTGCTTTTCCACT
TTTACTCGTGCTATCATCACTGGCTCCCATTTTATCCGACGGCAAAGAACTCCCTATATATTTCCGAAGAGTTC
TTCTCTGGGGTGACGTGTGGTTGATTCTGAATTTGAAACCCTTCTGTTGATAGAAATGGGCGGAAGCAATGG
CCAGAAGGCTAAAATGGCCCGGAGAGAAACCTGGAAAAACAAAAGTCGTCAGAGGAAGTCAGCTGGAAA
CAAACAAGAAAGCCATGACAATACAGTGCAAGGTATGCATGCAGACATTTATATGTACAACGACAGAGGTGA
AGTGCAGAGAGCATGCTGAAGCAAGGCACCCAAAATCTGATGTACATGCTTGTTTTCTCATCTTAAGAAAAG
ATAATCAATCAACTTTTACCTTTATCCTCTCTTCTCTCTCTTTGCCCAAATGCTCCTACAGGCTACACGCCTT
TCAATGTAATAACATATGCTTATGGTAAAAAAAATTAATATATATACATACATATGTTAATAAAAAACCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4778 DQ138370|Manihot esculenta neutral/alkaline invertase (nINV1) mRNA, complete
cds

CTCATACAGCTGTAAACAAGTTCAATGTCATCCCTGATTCAATCCCAGAATGGGTGTTTGATTTTATGCCACA
CGTGGTGGGTACTTTGTTGGTAACGTTAGTCCTGCAAGAATGGACTTTAGATGGTTTGCTTAGGTAAGTGTG
TTGCAATTCTAGCATCTTGGCACCCCTGAGCAATCAATGGCTATTATGGATCTTATTGAATCACGCTGGGAA
GAGCTGGTTGGAGAAATGCCTTTGAAAATATCATATCCTGCCATAGAAAGCCATGAGTGGCGAATTATTACTG
GTTGTGATCCGAAGAATACCAGGTGGAGCTGCCATAATGGTGGATCTTGGCCAGTTCTACTGTGGCTGCTAAC
AGCTGCTTGCAATAACTGGACGACCACAGATTGCTAGAAGAGCCATCGAGCTGGCGGAGAGTCGGTTGCT
GAAGGATAGTTGGCCGAATACTACGATGGAAAGTTAGGAAGATATATTGGAAAACAAGCGAGGAAATACC
AGACATGGTCGATAGCAGGATACTTGGTTGCAAAGATGATGTTGGAAGATCCGTCACACTGGGGATGATAT
CACTTGAAGAGGACNAGCAATGAAGCCACTGAT

>trans_s_4779 AY109930|Zea mays CL12284_1 mRNA sequence

TCTCCAAACCATATGTCGATCGTGTGCTATCATAATGAAACCTCATGTTGACAAAGTTCAAGTAGCCTTAAGT
CCATACACAAAGGATGTAGTGCATGCTTGTGGAAATTTTATGCAGTCTGCTACTACACATCGTCAGAAGGTTA
AATCTACCATCCAAGAAGTGCTCAACAGGCATGACATTACAAGACCGGCTGCTTCTACAGAGTTCGAGTGGCT
TTTGGATTCCGCATTATTGGTCTTACCTGTGTTAATATTGTTCCATCTTTGCTCTTGCTGTGGCATATTCCGTAAA
AAGGCAAGGACATCTGTTCCGGGTACCAACCAACCATGGACGTCGTAAGGCTAAAAAGGGAACCTCTGGG
AGGTGAAGTGTAAACATCGTTTCCTGGTCCTCTGTTGTAGACGAAATTTTAAAGGTTTGCTTTATCTTTGACATTT
ATGTTTCTGAGAAATAAATAAATGAACCGCTGTTACTATATATATGTTACTCTGAAGTGGTATATGTTAAAAAATTAT
TCCATTATGCACATTCCCTTAATTGATTGGTCTTTTGGCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4780 AF304533|Altingia excelsa PsA (psaA) and Ycf3 (ycf3) genes, partial cds; chloroplast
genes for chloroplast products

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAACAAACCGTATTTATCACTCTTACATTACCTACAAACAAGAAAACCAA
AGTTGAATCTTCAATTACAATGATTCACGAAAACCAAAAGGAGCAAAAAAAGGCTTTCATATCGACCTGTTTT
ACAAAGCTTGAAAGGAAAATTTTCATCCATATACACAAAAAAAAAAGAGACATACATCTTAAAAAGGGGTCA
CCAAAGAAATGGTTCCTAACCTTATCATCACCAAAGTGCCCTTCTTTTTTCTGGCTTTGGTAACAACTAG
CAGTTATGGTTTTACCATCTGCGTCATCTAAACATATAGTAGCAAAATATACTGTAGAATTCACGAACAAGCAC
GTGACATGTATTCACCCTATCTACCAAAATTTGACTTCTGGTTCGGCGAACGAATAATCATTGAGTCCTCCTC
TTTCCGGACAACACATACAAAGAGACCCGCCAATAGTTAAGTAATTAGTGAACCTATGAGAGATTTTATACTT
AGTTTCTTCTCTGCTATCTCCCATCTATTTTTTTTTTTTTTAGTTATTCACTAGAGCAATTATGATCTGGAAGTTG
ATCCGGGGCAAGTGTT

>trans_s_4781 Novel Gene

CCACTGCTCGAACTTTGCTATTTGATGAGAAGTCACTTTTTTATACCAAGGGTAGGCATTTCTTGATTTCTATA
TGAACCATTTCTTTCTAAATAACGATGGTGTCCCTTCGATGATAGAATTTTATTTGTTCTGTTAGACACCGTCTA
CCATCTATTGGTCATCTGATGGGAGTAGCATCTCTCGTGGTGTGAAGGTAAACTATTTTTGCCTCATGGTTCA
TAAGTTGATTAGATTGGCGGAATTGAGGATCAAGAGCCGGGTTTGTGGTTCCTTCTCTTTGGCTGTTCAAGTTA
GCAAAATCTACTCCAATGTGTTTCTCTATCGTAATATTTTGAATCAGGTTGTGGACTTCAATTGTTAAAGATTC
GTGGGGGATTTAGGTGTCTTGTGGCGTTTCGCAAGAGCGTTTTTGGAGTAATATTGTCATATCTGACTAACGA
TACCAAATACCAATTTATTTTTGATTTGATTGAGCAACAGTACTGGCTTAATTGACTGAATGAATGAACTATGTTA
CCTCCCTCCTTTGACTTTGATAAGTGTATTTCTTCCTAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4782 XM_002329027|Populus trichocarpa aminophospholipid ATPase, mRNA

CCACATTTTATAGTAACGATTACCTGTAATCTCCCATATCTTGCTCACATTTCTTCCAGAGAAGCTTCCATCCAAT
GGATCATCACATTATCCAAGAAATCAAATACTACAGAAAGGATGTTGAAGATACGCACATGTGGACCAGGGA
AAGATCAAAAGCAAGGCAAAAGACAAAGATAGGATTCACAGCCAGAGTAGAAGCAAAAGATCAGACAGTTAA
AAGGAAAGCTGCAAAAGAAGCACTCTCACTTGGTGTGCCTCCAAATGCTACTGCTACTGCTATATCATGAAA
ATATCTCCACCCTAAATCTTCAAATTTTTGGATTTTTTCTAGAGTTTCCGGCCCATTTGAATCTTTTTCTTT
ATTTTGAATTTTTTTTTCTGTTATGGAAAATGGGTTATTGCCACCCCCCATTTGGTTATAACAAGAAAGAATGT
GAATCCGGAGCTTATGTATGTATCATAACTTAAAAAGAATTTGAAATGTTAAGAGCTTGTAGAATAGCTGAT
ACCCTAAAAGCTTGTGTTCCCATTTCTTTCCCCCACTTTGTTTGTGTTATATCCCCTTATTCATATTCAGAGATT
CAAAACTGACCATGTCACCT

>trans_s_4783 BT008310|Arabidopsis thaliana At2g01260 gene, complete cds

CAGATCTTGCTTTTCAGTTCCTAAGCTCAAGACGATACGAAGTTGTGATCTATTGCCTTCAAGCTGGTTTTCTG
TGGCATGGTATCCAATTTACAGGATTCCAAGTGGACCAACATTAAAGGATCTGGATGCCTGCTTCCTCACCTTT
CACTATTTGTCTTCGCCAACTGGAGGAGCACGTAGTGTTCAATGTCCTGTAGTAACGTATCCTAGTGAGATAG
ATGGTATCCCTAAGATGTCTCTACCAGTTTTTGGTCTAGCTTCATACAAGTTCAGAGGGTCTTTATGGACTCCA
AATGGTGGATACGAGTGGCAATTGGCAAATTCACCTTTGCACGATGCTGAGGATTGGTTAAGAGAACGTCAA
GTAAATCACCTGACTTCATCTTCTCAGCCGAAGGTGAAATCCTTGCAACATCTTCAATGCCTAAACCTAAAG
CTGGAAACAATATCATCGTTCAGTATGATGTCGTAATTTGCTCTTTGTGCCGCTGTTCAACTTTCAGAAAATGG
AAAGGAAAAAGGAAAAAGAACAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4784 NM_113321|Arabidopsis thaliana PMP (PUTATIVE TYPE 1 MEMBRANE PROTEIN)
(PMP) mRNA, complete cds

ACCGCCAGGCACACCTGTGGTGAATGCTTTATCAAAGCAGCGCGCAATGCTGGAGAATATAATGAGAGCTTG
TGTTGGGTTGGCACCTGAAAACAACATGATTTTGGAGTACAAGTGAAGTCTGGAAGTGTTTAAGTTTGATAG
AAGTTGGTTTTCTTATATAAATATATATATAAGTTTGTGAAAATATGCAATTAGTTTCTGTTTGGTCCTTTTCT
TGTCTTTTTTTTTCTTTTCTTTAAGCCCTCTTTTTGTATTAGGCTTGGGGAAGCGGCCAATCTTGGGCTACTTA
TGTCTGTAATGGAATTATATATATTTTAAATAAATTAGATCTTTATGTCTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGGCCCTAAACCCAGAAAAAATTAATAAACCCCTCACCCCGGGGGGGGGGGCCCGGACCCCA
ATCCCCCCTGGGGGGGCGTATTGCCCCCCCCACCGGCCCTTTTTTAAACGTTGGGGGAGAAAAACCC
GGGTTTCCCCACCTTAATCCTGTTGAAC

>trans_s_4785 DQ359730|Nicotiana attenuata JAR1-like protein (JAR6) mRNA, complete cds

GTTAACCCAATGTTGCCCCCTGAAATGGCCACCTTTGCTGTGCTTCCGAACATCGGATACTTCGAATTCATCCC
ACTAAAGGAGAATGCTCAAGGTCAGCATCAGAGGAACAAGCCAATTGGTTTGACCGAAGTCAAGATCGGTGA
AGAGTATGAGATAATCGTTACCAATGTTGCAGGGCTGTACCGTTACAGATTAGGAGACGCAGTGAAAGTAAT
GGGTTTCCACAACCTCGACGCCAGAGCTGAAATTCATCTGTAGGAGGAACCTTCTATTGAGCATCAACATCGAC
AAGATCACGGAGAAGGACCTACAGCTAGCAGTGGAGGCAGCGGGGAACGTGCTGGCAGCAGAGAAGCTGG
AAGTGGTGGACTTCACAAGCTATGTTGATGTGTCGAGGGAGCCAGGACACTACGTGATATTCTGGGAGATTA
GCGGGGAGGCGAAAGGAGAAGTGCTGGGCGAGTGCTCCAAGTGTCTGGACAGGGCTTTCTTAGACGCAGGG
TACATGAGCTCAAGGAAGGTGAATGCCATTGGAGCATTGGAGCTGAGAGTGGTTCGTAAGGGAACCTTTTCAT
AAGATTATGGATCATCGCTCACTCAATCTCTATTAGTG

>trans_s_4786 AY109389|Zea mays CL12741_2 mRNA sequence

ATATTTTGTTCGCCATTTTATTAATCACACGAGCCGGAGCCGCATTGAAACAAACAAAAATGGACGCCATTGA
TTCCGTCTTCGATCCACTCCGGGAGTTCGCTAAGGATAGCGTACGTCTCGTCAAGCGCTGTCACAAACCCGATC
GCAAAGAGTTCACAAAGGTCGCGGTTTCGTACAGCGATTGGCTTCGTGTCATGGGATTCGTTGGTTTTTCGT
CAAGCTCATCTTTATCCCCATCAATAACATCATCGTCGGATCTGGCTAGACAGCTGAGGCCACAAAAGGAGCA
GGCCGGACAATATAGAAGGGAACCTTGATCAACTATTTCAAATTCTTACCAATGTTTTTATTAATTTTAAAGCTT
AATTTATTTTCTAGAGAAGTACCAAACCTCCATGAATAGATGTAACGAATTGCTAGGATTATGTCTTACTCCTGA
TTAATCCAGTGTGCTTGTTTCATGGTCGATAGTTATTTTAGAGTATAGAGACTGAGTTTTTGCTTTATGATATAAA

AGTAAGCTTCCTCATCGGTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4787 NM_102355|Arabidopsis thaliana zinc finger (B-box type) family protein
(AT1G25440) mRNA, complete cds

CAGGGTTGTTAAATCTTGGTAACACTTGTTTCATGAATAGTGCAATTCAATGCCTTGTCCACACACCTGAGTTT
GCCCCGATATTTTCGTGAGGATTATCACCACGAGATTAAGTGGCAGAATCCGTTGGGCATGGTTGGTGAGCTTG
CCATGGCATTGATGACTTGCTTAAGAAGCTATGGGCTCCTGGACGAACGTCTGTTGCTCCCCGTCCTTTTAA
GCAAAGCTTGCTCGTTTTGCACCCAATTTAATGGATATAATCAGCATGATTCCCAAGAACTTCTAGCATTCTG
CTCGATGGTTTACATGAAGATCTGAATCGCGTAAAGCACAAAGCCGATATTAAGTCCAGAGATGCAAAATGGA
AGACCTGATGAAGAAATTGCTGATGAATATTGGGCAAACACATTGCTCGTAATGATTCCATTATTGTGCGAGG
TGTGCCAAGGCCAATACAAATCACTTTAGTCTGTCCCGTGTGCAATAAAGTTTCTGTCACTTTTGATCCCTTCA
TGTATCTCTCATTACCACTCCAGTCAACCACCACCCGCACAATGACAGTGACTGTTTTTACTAGTGATGGAAGT
GAGCGTCCATCAACTTTTACTGTC

>trans_s_4788 BT025569|Arabidopsis thaliana At1g03330 mRNA, complete cds

AGATAAGATAACATAATAATCTAAATCCCAAGGAGGTATGTTTTCTCGATTGATAGCTCAGACGACTTTTAAAC
ATATACCGTTGTCAATCGTCGAGCGCAGATAAAGTGAAGGTTGGGATCTCAAACCTCCAGTGAAAATGTTAT
TTTTCTCATACTTCAAGGATTTGGTGGGCAGAGAGGTGACAGTTGAGTTGAAGAACGACCTAGCAATTCGAG
GAACTTTGCATTCTGTAGATCAGTATCTCAACATCAAACCTGGAAAACACGAGGGTTGTCGATCAAGAAAAATA
CCCTCACATGGTTGCAATGATCATCTTCTCGAAATCTGTCAATTTATGAATCTGGAAATATCGGTCTGCATGGA
AGAGCCACGCGTCCGGGTCGTCGCCGTTGAATATATTAACATTTTGACTTTTTTGACTTATTCGGATCGTTCTT
CTCTTCGTTCTTCTTTGATTCGGGTTAGGTTCTAATCAATTTTGTATCTTCGAATTCATTTTGTGGTTGATCCT
TCTGATTCCCGAGTTGACGATTGTTCTTCATGATTCTTCTATATATTCAAATTAATTGTTGCCAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4789 AL161595|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 91

ACCCACCGATTCAACAAATTCAAAGCCACAGAACACAATTGTGGAAAACATTTTCAATTCGTCTCCTTTTCTTT
TGTA AAAACCATGTCTCCATGGGAGCTAGCTGCGCTAGGGTTTATGTAATGAAAAGAAAGCAGAGGAAAA
ATTGCAGAGGATGGAGCAGGAGAGATCTGGCAGGAGAGAAGATAACAATCCGTCAAACCTCCAAAACTG
CCCATCACGGCGGCGGCGGAATTGCCGGCAAATCCAGTAAAAAGTCCATCCCGGTACCGTATTCGGGGTTC
CGCCACCTCTAATTCCTGAAAACAGGGCTCCTCTGGCTTTTACTTTCTCAATAGAAATTCATGCCAGAGTCGA
AGTTTTTTGTGCCTTTTCTTTCTTTTCTTTTCTACGTCTTGTGTAAATTTTGAACCTCCTTGGTGATGTGATC
TGGCTAGAAACGAACTAAGGAAGGTAGAAAGAATTTATGGGTTATATTTCTTTTTCTCTTCGTCTCCAA
CTTTGGTGTGGATTTTGGAGCGTTGTTGAAAATGTTCTAGTTCATCAAAACACGTTAACAAATCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4790 Novel Gene

TCCCATGAGTACGAGGCTTTGTTCAATTGACTGAAGTCGATCTTCTCGAACCGCTCCGTGGGGTCGAGCGAGT
TCCTCAGCAAAGTGTGAACGTGAACCTCTTTTCTTTTCGCCAGGTTTCATTGATTTGTTGTGGATTGGATGA
TGAAAAAACAGCAAGCCGCTTGACCTTTCATACGAGGTCAAGGGTCAAAGAATTTGAGTTGTGAAAAGGTT
GGAAGATCTGGCCAAAGAAGGTGATAGCCCTGTAGATTCGTTCCCATGGTTTCGATCCTTCCCAGTCAAACGCG
GCGTGTTTGAATCTGATCGCTTTTACGCGAGAAAGGGGGACCACCCTCTAAGCCTAAGTATTCCTCAATGAC
CGATAGCGTACAAGTACCGTGAGGGAAAGGTGAAAAGAACCCTATTTAGGGAGTGCAATAGAGAACCTGAG

ATCCGATGCTTTCAATCAGTCGAAGGAGCGGCAAGGGAAGTGAAGTCTAAGAGAATCTCAAGCTATCTCACTC
TAACGGCGTACCTTTTGCATGATGGGTGAGCGAGAAAATGGGAACACGCCCTTAAGCCAAATCCACATCCGCG
AAAGGTCTCCACCTTCTAAGAGCAAGAAGG

>trans_s_4791 NM_105997|Arabidopsis thaliana SUS6 (SUCROSE SYNTHASE 6); UDP-
glycosyltransferase/ sucrose synthase (SUS6) mRNA, complete cds

GTAACATTATGGCTTCTTTGGTCGTAAAAATCATAATGGAGAGTCCGTTGGTGATGGAATTGTAGGAGCATTG
AAGCAAAACCAAAATTATATGAAGACATGCTTTGGTAAGTTTGTAGAGAAAGGGAATAGGAGCTTGAAGAAG
AAGGAATTGATGGAGGAAATGGAGCTTGTTATTGATGATAAGATAGAAAGAAATAGGGTCATGGAGGGTAT
CCTCGGTCATATGTTGACTTCAACTCAGGTGGCGATTGTGATTCCACCATATGTTGCATTTGCAATAAGACCAG
AACCAGGATGTTGGGAATATGTTAAAGTTAGTTCTCTTGATCTTTCACTCCAATCTCTCACTTCAACTGAATTC
TCAAGTTGAAGGAGATGATTTATGACGAGGAATGGGCAAATGATGAAAATGCATTGGAAGTGGATTTTGGAG
CAATTGAATTTACAACCTCACTTAAGCCTCCCATCTTCAATCGGAGATGGACTTAGTTATACTACAAAGTTTC
TCACCTCAAAGCTAAGTGGGAAGTTGGAGAATTTACAACCTCTTGTGGATTACTTGTGTCCTTGATTACCAA
GGAGAGAACTTATGATCAATGAACT

>trans_s_4792 Novel Gene

AAGCATACAGAGTGAATCGGTCCCTAAGGAACCCCCGAAAGGGCTGCCGTCCGATGGGTACACGAAAGTGAC
GAAGTAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTGTCTGTTGGAGCGAGCGAAGCAGAGCCCCGAGGGCAGCCCC
TCTTCCCTCACTCTCCTTTCCCGCTCCGTGGGATTACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACTCGGCCTGGTC
CAACTATTTCTATAGTCAATGCGGCAGAAAGGCGAAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGG
CGGACACCTTTTTTTGTTATCTAAAGGCTTTGACTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGG
GCTCCGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTGTTTTCGAATGTCTCGT
TCAGCCTCACGAGTCTACAAGCCTTTCTCATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGGTCCCGAGAGAGCGTACC
GCCATAGTCGTGAGTCTGTGATACGCTATATGAGCGTGACGCGTGAACAAGGTTGAACTTCCAGGAAAAAA
CTTCTTTTTGGGAGGGCTCGGGAGGGCCA

>trans_s_4793 NM_129542|Arabidopsis thaliana DAR2 (DA1-RELATED PROTEIN 2); zinc ion binding
(DAR2) mRNA, complete cds

AGTTGATGCACGTTGGCTACGGCTAAAAGGATATCGCAACCTCAACCCGGAGGTAGAAGAAGGTATATGTC
AAGTACTTTCTACATGTGGCTGAATCGGAAGTAATGCCAGGGCTTAAATCAGGACCTTCGACATCTACCGC
ATCCTCATCTTCTCCTCTTCTCATCCACTACTCTTTATCATCAAAGAAAGGTGGTAGATCTTCCGCTGAAAA
AACTGGGTGAGTTTTTCATGCACCAAATAGCGAACGATGCCTCGGCAGCTTATGGGGAAGGTTTCAGAGCT
GCTAATGCAGCTGTGAACAAATATGGATTGCGCCGAACGCTCGACCATATTTTCATGACCGGAAGCTTTCCCG
TATAATAAACGATGTGCTGTTGTTAGTTTGATGTGGGAGGAGATTGTTTTGTTACCAGATAGAGCTCAATATA
GAGAGTTTGGAACTACTCTGTTTATTCTCACTTTGGTTTAGACATGATCTGGTTCAAAGCAAAGTCTCTTTCC
AATAACATGTATTCTTCTTCTTCTTAACCTGTTTAAAAGTGTCAACTCCTTAGCTTATTTCTTTCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4794 AF211540|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 75 (ACRE75) mRNA,
complete cds

AACAAAAAAGCAAAAGAAAGAAGAAAACAGAGAGGAAAACACAATCAATCAACTTTGTTTTGAAGAACCATG
GGGAAATCGGAATCGGCGAAAGAATGTAAGAGACACCCAAATTACAATCTCTTACCCGGAATTTGCCCTTCTT
GTCTACGAGAAAAGCTTCAACAATTCATCAATCTCCCAATTATTCCGATTCTCAATCAACTTTCTCTCCCTTC

TTCTTCTCCTCCGATTTTTCTTCTCCGCCGATTCTCTCGCCGCCACCGTCGCCACCACCACCGTCGTAACGCC
TCCGAGTTCGTCCTGTTGGTTCGATGGCGGTTGATTTGTTAGCGGACAAGCTGAAGAAGAGCGGTTACATTAGG
ATCTCAGCCGATGGGAGCACCGGCGCTGGCGTTAAAGGAAAGAAGAACTTGGGTTTTGGTCAAGCTTGCTG
CTCCGCCCAAAAGCTCTTTATTTTAGTTGATTATTCATCATGTATAAGATTTTATTTAGTAAATGAATTAGAATT
TTCTCTTTGTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4795 FM244835|Nicotiana benthamiana mRNA for fibrillarin 2 (fib2 gene), allele b

ACCCAGCCAAGTACCGGATGTTGGTTGGCATGGTGGATGTAATATTTCTGATGTTGCTCAGCCAGATCTGGC
GAGAATTTTGGCTCTTAATGCCTCATATTTCTAAAAGCCGGTGGTCATTTTGTATATCAATCAAGGCCAACTG
CATAGACTCTACCGTTCCAGCAGAGGCAGTGTTTGCAAGTGAGGTGAATAAGTTGAAAGCAGATCAATTCAA
ACCGACTGAGCAAGTAACTCTGAACCAGGATCTATCGATCATGCCTGTGTTGTCGGTATTTATCGGGCGCCA
AAGAAACAAAAGGCTGTTGCCTAGTTTACACAATAGGATTTGGTTAAGTTTGTGTTATCCATCGTCTAGTAG
TTTATGGTTCTCTTATATAGTTGTAAGCTAGGCCATGTTGAAGAAAGTTTGTGTTAATTTTCATTTTGTGGAG
ACTGATGATAATCGGTTAACGGGGATGTCTGCTCTTTGTTTTGCTTTGTTATATCTTAGATATGTGTAATTTGGA
TGCTGGCATTCTACTCGGAGCTTACACCTTATGGGGTGTATTTGTTAAATTATTATTGTTGTTTTCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4796 XM_002499830|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2 SNF2 super family
(MICPUN_56506) mRNA, complete cds

GCTAAACCTCCTGTTTTCTTCAAGCAATGGCGGATGAGATAAATTCTGACTACGCCGATGGGTTTAATCCTA
AATTCTTATCATCTGAGAACCCCACTCTCCTTGTGACCGGTGGATTCTGCCTTGGGGATCTCTGCCGATTAT
CATAACTTCCCTTTGATCGTCTCGAATCAAACTTGACTGTGAAGTCATCAACACTGTGACTTCCGCTTCTCCG
CAAGAAAACCCAGAAAGTTCTGTGGACAAGATGGTCTTGTGCGATTGCGCTTGTGGGTCTTCTGAAAACGGA
GGAAGTATGGGAAGTCTGGTGGTGGGCAAGATTGAGAATCTTGACGTTGAGCTCGAAAAAGAACCTCTCAAG
GTGGACGCTGTCCATGATTTTGAACGCTTGATATCGGGCAAGATGAGAAGCAAGAAGTTGCGGTTGATGAA
GTGGATGTGAAAGATTTTGCAAGAAGTGTACTAAGTTTGTGATGGGAATCAAGATTGTGCGAAGGAAGAACTT
GTTGAGAAGGTCAGTTGGCTGCTGACAAAGAAGCCTTGCACGAACGGAGAAGTTGTTGAAGAAAGAACT
GATTCTGAGAGCATTTTGGAATGAAAA

>trans_s_4797 NM_001036782|Arabidopsis thaliana CD2-binding protein-related (AT5G09390)
mRNA, complete cds

CGAGCATGCAGATCCATCTTCTAATGAAAATTTAGTTGCTGATGCCAATGGAGTCGATCAACAATTTCCAGTA
ACCTTAACCCTAATTCTGAGAGTGAAGCTTCACAGAATGACTATGTTTATGATGAATCCTCAGGGTATTATTAC
AGTAGCAGTTTGGGGTATTATTATGATCCATCTACGGGACTCTTTTGTCTGCTACGTCTGGACGATGGTACTC
TTATAATGAGGAGACTGGCGCATATGATGAACTCCATGAAGCTTCTGCCCTAATGCCAATTGAGAAATGATG
AAGATCTGATGGAGGGAAGTGTACAGAATACTGAACTGAACAACAAATTGGAAGATGTGGTAATGGGTAAG
GTTACAGTTGTCTTTGACTTTTCACTTTTTTTCTTGGGAATATCATTGTAAGTTATGTTCTACAATTGCTGTTT
ATTTTGTATTACTTCACTGAATTCTATCAATGGAGTCACTTAGCATGGCAAGGTGGCCAAATGCAACTTTCTTT
AGGCTGGATTTTGTATTTTAAAGACTTAGTTCTATCTATAAAACAGGGCAATTACTTGTTCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4798 XM_002891078|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AK-HSDH I, mRNA

TATCAGCTGTTATTAGAAAGAGGGGGCTCGATTGCAAGTGGATGGATACAAGGGAAGTTTTGATAGTAAATC
CCACTTCTTCAAATCAAGTTGATCCAGACTTTTTGGAATCAGAGCGAAGACTTGAGCAATGGTATTCCAAAAAC
TCATCCAAGATAATCATAGCAACGGGTTTTATTGCCAGTACACATGAAAACATACCCACTACTTTAAAGAGAGA
TGGAAGTGACTTTTCTGCTGCAATAATGGGTGCTCTGCTAACATCTCGGCAAGTCACGATTTGGACTGATGTC
GATGGTGTTTATAGTGCAGATCCGAGGAAAGTTAAGGAGGCCGTTGTTTTAAAGACATTGTCTTATCAAGAAG
CATGGGAGATGTCATATTTTGGTGCAAATGTTTTACATCCTCGTACAATTATTCCAGTAATGCGATATGACATA
CCAATTATCATAAGAAATATTTTCAATCTCTCTGCACCTGGAACAAAGATCTGTCTCAACCAGTTGATGAGGA
AAGTGAGAGTCTAGTATCTTTGTAAAGGATTTGCAACAATAGATAATGTTGCCCTTGTAATGTTGAAGGC
ACTGGTATGGCCGGTGTCCCAGG

>trans_s_4799 NM_001049997 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0593600 (Os01g0593600)
mRNA, partial cds

GGGTGGCCTTCCTCAATGACGTGGTGGGTTGTGAACGGAAGTGGGCTTGTAGTCATGTCTTTACTGGGTGAAT
ACCTGTGCATCAAGCGGGAGCTTCGAGAAATTCCTATAACACGATTGCGTTCAAATGTCTGAGCTCAAATTC
AAATTGCAAGAACCACCTCTTCATGCATGATTTTTTGGTGGCCTATCTTATTAAATTTGTTTAGCTAGTGGATAA
AGCTGATGAAAAGCCAGATCAAATGAGAATCAAGGAAGAGGAAGTATGATGATTGACCGTAAATATCG
AAAATAACCTAGATCAGTGCCTGGATTATGATCTAGTGTTCGAAGCTTTACACAAGTACAGGAAGTTTTTGT
AACTTTTTGGGGAATGGGTCACTTCCAATGGTGAAAACAGGCGATGACTGATGGCTATAAAGCTTTGTTTGT
CCTTTCTTGTTTAATGGTTACAGGATATATATTGCTAGTTGCTTTTATTCATTTAATTCCTTCATACAGATGAG
TTTACAGCTTAGTTTGAATGAGACTTCTTTACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4800 NM_125651 | *Arabidopsis thaliana* calmodulin-binding protein (AT5G62570) mRNA,
complete cds

CAAACCTCATGATTTGGAACAGAAAAGCGGAGTGGTCTTTAATGTTGTAGGACGAGTGATGGGGCTACTTTCA
GATTACCAGTACGTTCCCATAGATAAGCTATCTGAAAGTGAAAAGGCACTCATCTCCTGTCACCTCTAAGTATA
TATATTATTTTCTAAGTTCCTTTACGTTTTTTCAGCTGATTTAGTACATTCTGTACTCAGGCTGATGCTCA
CAACTTGGTTATCTCTGCATACAAACACTGGGAAGAAGTGGACTCCATTGATGATGAACTACTCTTGTAGGT
GGCTCTTCTACCCACTTAGTTTTGTTTACACCCGAGCTCACCCATGGAGGACCATTCTTATGGTAGCAAGTA
CTTGCTTCTCCAAAATTTAGTGGCTTTGATTTCCACCATCAAATGCCTATTCTTCAGACATAATTCATCGATG
GGTTCTACTGGGAATCCTTGCGGCTTGACGATCATGCTTTCAGGGTTTCGGTTCTATGGTTGTAAGATATG
ATCCGATGCCAAGTTCCCCAAATTTGCCAACCTTCTCTGATCTGCGATTCCGAGCCACTACACTCATCTTTCT
TGACGTGGATCATA

>trans_s_4801 NM_112695 | *Arabidopsis thaliana* RACK1C_AT (RECEPTOR FOR ACTIVATED C KINASE
1 C); nucleotide binding (RACK1C_AT) mRNA, complete cds

GATAACCAGAATTATAAAATTTTTATTAGCTTCAAAATATCAATAAGATATAGTTACAATGAGTAGTACAACCA
ACTCTGATATTGACACTTTTACATTAGAGTCATTTGGAAGGTTTGCAATTTGCAAATATAAAAACGCCACCTGGC
CAAATACATACGTATTGGCGTGTGACTGAGCATGAAGTTATTCCTGTGCCTGATGGAAGAAGAGTCAGTCTAG
CCTATGATGAGGAAGTAAGAACAGCGACTGAACTACCAAAGAAACCGTTAAAGCTGAAGTGCTAGATACAA
CATCTACCAAGACATGGAACTCTCAAGCCCAATATGAAAACTCTTGCCCTACTAACCATGGCAGCATGGTCTA
CATCATCTAGTCTTATGAGGGGAACAAAAGTAGAAAATGTGTGAATAAAATCAAGAGTACAATATAAACTCTT
GGTCTATAAAGAGTGTGTCAGTTTTGTCCTTAGAGTTATTTAAAGTGAGTCAATGAGGTTTAAAAAATATGTTT

AAATTGTTGTGATTATGCTTGACCCTTGATAAATAAATGTATTGATGATGTGGCATTTCATTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4802 NM_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)
mRNA, complete cds

ACCAAGCAAATCATAAAAAAAAAAACATACGAACATTTTGCTCCAACACTAAATCGTATCATTTCTAAGAAAAT
GTCTCGTGCAAGCAAGCTACAGCTCTCCAGGGAGGATATAAAGGAGATTTTATAGAGAGCACGACATCGA
TGGAGATGGTCGATTGAGCTTGAGCGAGATGGTGAAGGCCTTCGGGTTCTTGGCAGTATTCTCCTTTCTAC
AAAGCACACTATGGAATGGCTCATGCTGATGAGAATGGCGATGGTTACATCGAAGAGGAGGAGCTCGACAA
GCTCGTTGACTATGCCGAGAAGTTTCAGCACAGAGAGAAGTGCTGAGGTTATATGTAATTTTCCTCAGTCTGC
TGATCATAATGTCATGACACTTCTATTTCCATGCACTACTTTAAATATTACTCTCAAGTTTAGAAGTTTAAATGT
GTTGTATAAATAAATTAATAAAAAAAAAAATGAAGAAGGGCTAGGCTACCTAGCTAGCTGAAAGTCCTGCTTGC
CTTAGCTATCAAATGGGATGTTGTCTCTGTGTTTCAAAAAATCAAATAAACAGAAAAATAAATTCATACGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4803 AB300310|Brassica rapa PsbQ2 mRNA for oxygen-evolving enhancer protein 3-2,
complete cds

GGTTGATGATCAAAGCCCAGCAAGTTCCTGCTGAGCCTGAGACCAGCCGAGGGCTGTTCTTGGCTTGGTCGC
CGCCGGTCTCGCTCCGGCTCTTTGTTCAAGCCGTCCTCGCTGAAGCTAAGCCCATCAAAGTCGGTCTCCCC
CACCTCCATCCGGTGGACTCCCTGGGACTATGAACTCGGACCAGCCAAGGGACTTGGACCTGCCATTGAAAGA
TAGGTTCTTCTGCAACCACAAAGTCCAGAAATGTCTGTGGCAAGAGCAAAAGAATCAGCCAAAGACATTATC
AATGTAAAGGGGCAGATAGAGAAGAAGGCTTGGCCATTTGTTCTGTGATGACCTTCGTCTTAAAGCAGAGTAC
CTTCGTTATGATCTCAAGACAATCATTTCTTAAGCCTAAGGAAGAGAAGCAGGCCCTTAAGGACCTCACAG
GAAAACTCTTCCAAGACATCAACAATTTGGATTATGCAGCAAAGATTAAGAGCAGCTCAGAAGCAGAGAAGT
ATTATGCTCAGACTGTGTCAACTCTCAACGATGTTCTCTCAAGATTGGTTAGAAGTTTCTGTTAGCCCAGCAC
GGTAATAAACACCCTCGTTACGC

>trans_s_4804 NM_112529|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related
(AT3G16560) mRNA, complete cds

AATGGTAATCACTCTTCTTTGCTAAACCTGCACAATTAGCTGCTTTCAACAGAAGCTGCTCCAGTAAAAATTTT
GCAGGATCACCAGTTGGGTTGCTCAAGATATATGAATGGACAAGGTTCACTGCCTCCTCATTGCCAAAAAAGT
CAAATAAACCATCACTTCCAATAAACAAGCAATCTGATTTTGATATCCTATGGATAGACAATGCCGGTTGA
GTGGAAATATAGGGAGGGCTTATTAGGTTACGAACTCGAAGAATACCCATCAAAGCATCATTAAATTTTTTCT
GCAGAGGAAATAAATTCATAACAATCAAATTTATGATGGACTAAAATAATTTCCAGAATGCAGATGACGTTAC
CTGGTTCACTCAGAAATGAATACCATTTTATGATTGATACCATCAACTTTGTCCTGAAAATTCATATCCTAT
ATATAATAAAAGTGATCATGCATATTGATTTTATGTCCTGAGCTGATATGGATTTTACCAAGGTCAGGTGAGG
TCTGAAGTAACAGGAGAAGAAAACATAGAATCCTTACAAGAATGGGATGGGGTGGTGGATTCAAATACAGA
ACATACATACATGGTTAAGA

>trans_s_4805 AF424622|Arabidopsis thaliana At2g18750/MSF3.13 mRNA, complete cds

CAGACAAGGTATATGGAGAGGACAACTCCATGAGGGAGAAAAGGGGCTTGGAGGGTGGAGAAGATGAGC
TGCCAGAGCGAAAGCGACCAGCTTTAGCTAGTGTGATTGTAGAAGCCCTGAAGGTGGATAGTTACAAAAGC
TGTGCTCGTCATTGGAACCAATACTCCGTAGAGTGGTTAGTGAGGAAGTGGAACGTGCTTTGGCTAAGATAG
GTCCTGCTAGAATTTCTGGAAGGTCTCCCTAAAAGGATCGAAGGTCTGATGGAAGAACTTGCAACTTCA

CTTTAGGTCTAGATTGTCTCTTCCCCTATTCACTGGAGGGAAAGTGGAAGGTGAACAGGGTGCAGCAATTCAC
GTCGTTCTGGTTGATGCCAACACAGGCCATGTAGTAACGTCTGGACAGGAGGCCTTGACTAAATTGGACATTG
TGGTACTTGAAGGTGATTTTAAACAATGAAGATGATGAAGATTGGACGGAGGAAGAATTTGAAAGTCATGTGC
TTAAAGAGCGTGAAGGAAAGAGGCCTCTATTGACTGGTGACCTGCAGGTTACCTCAAGGAAGGCATTGGAA
CACTAGGGGATTTGACCTTCACTGATAAT

>trans_s_4806 NM_103910|Arabidopsis thaliana NTMC2T5.1 (N-TERMINAL-TRANSMEMBRANE-C2
DOMAIN TYPE 5.1) (NTMC2T5.1) mRNA, complete cds

AAGCTTCAAAATGATGCCACCCTTTCTACTAGCTCAGGTACAACGAATTCGAGATCTCGTGATACAGCTACAGA
CAACAAACCCACGGTTTCAAGTAACGGAGCTGGAGGTTTAGCCGATTCGGCGTTGTTTTGGCTCACTGTGATC
ACAAGCATCTCTGTGCTGATTGCTATCAACATTGGTGGTTCGAGTTTCTTTAATCCATAATTTTACGGGGGGGA
CTCTCGACAACCATAGCCATCAGTTATTTGTATCATAGAGCAAGCAACCTTTGGCTGGCCTTGAGTTGAGTAT
ATCGCTCACCCATATACGTATTGAATTGAACAATTAGAGTTCAGTCAACTTAACTCTTGTTAGGTTTGTGTATAA
GTCGCTAATGGAGCAATATTCTGTTGGCGGCATGCCAATTTGACTTTGTATTATAAGATTCTTACACGGAAAA
AAAAATCTTTTGTACACCACCATATGTTTATGAAATGCAGTAGATTTTGAATTATTTGTTGAACTTTTAGCTT
TAGACCAGTTTAATATTTTCATTGTTATCTGAATACTAATTAATCTTTCCTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4807 Novel Gene

AATATCAAACCAAAAAAGTCCTCTCTTGCTGAAGAATGAACGCCATTGCAGCATCTCAATAATCTCCCCACCTC
GGTCTTCATCGCTAACAAATTTCTTGACGATTTCAATCTTCACGATGAATCAAGATCCTCGTCTTTCTCCAACCT
TGAAGCCTTCAATCTCCTTTTATCAGGTCTTATCTATCTCGAGTATGTATCCAGTCTAGTTGGAATTGTATTCGG
CTGAAGGTCATATAGATGGATTTTGAATTTTGATACTCCATGCTCGTATGTGGAACAGAACGCTTATGGCTG
GACCACAGGGGCTATGGTCCGACGGTTTCTTTGGGTTGTGTTGATTCAATCACCGAAGGTTTCTTTGGGTTGT
GTTGATTCAATCACTTGGCGCCATTTGCCATCAACGACCCTGGACTGGCACTACCTTCTGTAATTTTCCACATC
ACGTCTCTTGAACTAGTGTAATCCATTTTCTGAATGAAGTCAAATAATTGTACGAACTGAAAGAAGATATT
GATTTGTTTCTGCACATTTTGCAAATAATAATAGAGCGAAGCTTAGGTTTTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4808 FJ597625|Cucumis sativus chloroplast ABC transporter protein (ABC1) mRNA, partial
cds; nuclear gene for chloroplast product

ACATCCAGGTGAAGAATCCACAGCTCGCATTGAACACGAAGCCAGTACCTCCAAGATTGGTGAAGATCAGTT
GTTTTATTTTCAGCAGAGAGGAATAGACTATGAGAAGGCCATGGCTGCCATGATATCCGGATTCTGTCGTGAC
GTCTTCAACGAGCTACCTGATGAGTTTGGTGCCGAGGTGAACCAACTCATGAGCTTGAACTTGAAGGATCTG
TGGGTTAGGTTGAAACCAAGAAATATTTAAAGGTTAGATCATCTTGAGAAAGCTTAGATTATTTAGCATAAAT
GGTCCCACAAGCCCTTCATCTTCTGCTTGACTATATACTTCTGCCTCTAAAAATCACAAGCAGAATGTAAAT
AGTTTTTGAGTGTTCAATCAACTTGTAAGTAGTTATTAGCTTCAGTTCGGTCTGGGAGACAGACTTGTTGT
TCATATATAAAATTTTCACTTACTATTAATCTGTTTCATCTCTTAATATTGTTTACATCTTGATTGCTTTGACATCA
ACTCCAAGGAATTTGACTTCTAAGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4809 XM_002882930|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L37, mRNA

TTTGGACAGTAGAGGAATCCAAAGGCTTCATCCTCCAATTCGATTAAATGGGTAAGGGAACGGGAAGTTTCG
GTAAACGGAGGAACAAGACCCACACCCTCTGTGTTAGGTGTGGCCGTCGTAGCTTCCATCTCCAGAAGAGTCG

ATGCTCCGCTTGTGCATTTCCAGCTGCCCCTAAGCGTACATATAACTGGAGCGTCAAGGCGATCCGAAGGAAG
ACCACTGGAAGTGGGCGGATGAGATATTTGCGCCATGTTCTCGCAGATTCAAGAGTGGTTTCAGAGAAGGT
ACTGAAGCAGCGCCAAGGAGCAAAGGAGCCTCATCATCAGCCTAAAGACATTGAAGGTTAATTGTGGCACAA
CTTGGTACCTTATATAGGTTCTAGGAGGATTTTATCATTTTTGAGACTAGAGTTTATAAGAATTTGTTTGATGA
TGTTATTGCCTTCAATACTGAAGCTTGTGTTTTATTCTTACTCTTTCGTTTATTGAATTTCTGATCGCTGTTTTAG
ACCACTGTCACCTTTGGTTAATCTATGCCTTGAGTTATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4810 FJ610345|Cucumis sativus 6-phosphogluconate dehydrogenase (6PGDH) mRNA,
complete cds

ATCAGCACGCCGGGGATGTGCGCTAGCCTTGCCTATTTTGACACGTACAGGCGTGCTAGGCTGCCTGCCAATC
TTGTGCAGGCGCAAAGAGACTTATTTGGGGCTCATACATATGAGCGAGTGGATCGCCAAGGCTCCTACCACAC
AGAGTGGACAAAGCTGGCTCGCAATGCTGATGCTGGAGTTGGCATTTCCTCACTGAGCTTTTGAGCTGCCTGCC
AATTTGGTCGGTTTTCTTCTCTGCTTCAATTGGGTGCAAATTCCTACTTGATTTTGCTTGCCCATTTCAAAAGT
TTGTAGGTTTTCTTTTTGTATCACAGTTTGGACAGTCTTCCATGCTTCTTAGGGGAGTAGGTAGCAGATAATTT
TACTGGCCTTGAGTATTTGCTATGAATAATAATTAATAAGGAAAAAAAAAAAAACAAGAAAGAAGCAACAGCT
GCAGGATGGCCATTGAGTTCTATCGTGAAGTTCTTTTACATCTCCTTGATGTTCAAAATGAAAAATTTCCCT
TTGTTTAATCTCGTGTCTTTGAAATTGTGGAATGAAAATTATTCTACCATTGATGACAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4811 AY106766|Zea mays PCO091412 mRNA sequence

ATGGTCGGCAGTTCTCGTAAATGGGCTTATACGCGGATCATCGCCGGCACCATTGTCGGCGGCGTTCTTGGCT
TCTATGTAATGCACCGCGTTGAAGTTGGCTATAAGGAGAAGATGAAAGAGAGGTTAAACAATACGAGAACG
AACTGAAGAAGAAAGAGAAAATGAAAGAACTTGAAGACTCGCTATAGTGTGAGTGTGCTACACTTTTCTATT
TGGGTGTTCTGATTATACAGAGCCGAAGTTGAAGTTCGAGAGTTTTTGCATTGGCTTTAGAAATTGAGCTCAT
AAGAACACTCCAATCATTCCATATCAATTAGGGCGCTGGAGTATAGAACTGGATTTGGGAATAAAGTAATGTG
GGCTGAAAAGAAAAGAACTGGGTGCAATTTTGTCTCTTTCTACAATTTATCACTGATTAACAGCATGTGT
GTTTTGTTGTGTGATTGGTTTATGATTTATTCCTTGATTAATGGCAAGCCCTTTAAGTTAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCACTATGATTAGGACGAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4812 NM_180307|Arabidopsis thaliana zinc finger (DHHC type) family protein
(AT3G26935) mRNA, complete cds

CGTCGCTGAGAAATTATAGAGAGAGAAATAGAAACCCTTGATTTTTCAATGTCCAAACCCCTCATTTCTCCTC
CTCATACTACGATTAACCTCTCTCAGCTCCACCGTTATCTACCGGTAAGGAATTTTCAGATTTGCTTCTGTAA
CTGTCCGCTTTCGCTTCCGGTCGCCGGAATTCGGTCGGAGTAGTTCACCTCCTTGTTTCTTCTTATTCTT
TGATCTGATGCGCAGTTTTCTTCTTCAAGTTGCTTATGTTGTTTTACTTTGTTTCTAGGATCTCTTTAAGCTG
AGAGAGTTGAGAGATTGAGAAACAGAAACGGAAAGTTCATTAGATTAACCAAAGGAAAATAGAGATGTAT
GTGGTTCCTCCACCGCAGCGATCGGATCCGATTTCTGGATCCTCTAGCGGTTCTACTGATTTACGAGTCTACCA
AGCTTGGAAGGAAGCAATATTTCTTCTCCAAGGAAGGTTCAATTTTGGACCAGATGTTAGGTCAATTGGTG
CTGACGATATTTCTTATTGTTGCTCCTGTTCCATTTCTGTGATTTGTTGCCAAGAAGCTGATGGATGACTTTT
CTGGTGATTG

>trans_s_4813 AF492633|Capsicum annuum upa9 mRNA, complete cds

GCCCCACTACTCTCCTCTCCTTCTTCAAACCATTTGGATTTTGATCAGTGCTTCCACACAAATCCCCCTCCTTTTG
GAGAAGGAGAATTCGACCATCCATCAATGGCGTCTTCCAATCCTACTACTAGGGCTTCAAAGCTCTCTTCACC
ATCTTCTCTCTCATCTTCTTATTCTTTCTCCACTCGTTGACGCCGCAGCACCTGCTCCCGCTCCCGCTCCCGCTC
CTTCTAGCGACGGGACCTCCATTGATCAGGGGATTGCGTACGTTTTGATGCTAGTGGCGTTGGTTCTCACGTA
TCTAATTCACCCTCTCGATGCATCTTTCTTACAATTTTTTTCTGAATTGAATTGAATTCTTCTCCTAGGATTGTA
GCAATGTAGGCGTTGTTTGTGGACGTTTGAGAAGGAACGAGACCCATTTTTTCTTCTCTCTTTTTGTGATAAAA
TCAAAAGTGTATATTTGGGTCCACAGATTTTGATCAATTGCTCCATTTAATTCATTGTTTATTCGGTTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_4814 AY039525|Arabidopsis thaliana AT3g57280/F2809_130 mRNA, complete cds

CGGCGGTGGGTTCTCCAGAAATTACGACATATAAGTAGAAGCATAGCATTGCAGCACTGAGGGCAGCATAA
ATGGCTGTTGGAACACGTTTTTGGTCAATAAGTACGTCTGATAACTATTCCAGAAAAACGAGGCCGTAAATA
CTGCTTGTCTAGAATGAATGGAAACTGGACTTCCCCTGCCTCCACTTAGAACAATTCCACCAAAGGAATGC
CAAAACAGAAATCGTGAATTTTTGCTGTTCTGTTTTGGCACAGCACCAACACCACCAGGCTCCTGCAGCTTCTCA
TTCTCTAAATTTCCAACATCGGGCGACTTTTCAACATCCGGATATGAGTTTGTGGCACTTGAGATTCTGATAC
ATCAGTGGCATAGCTTAAAGTTGTTTAGTCTGGGAATCAGCTGCATTGGAACAGATCCTTCAACGCTCATAA
CAATCGAAAACCTTAGGGAAGGAAAGAGAAGGACGAGAAGCTAAGAATGGTCGGCGGTGTTGCAGGCGAAA
GCCACGGTTGATGGCGCACAAACACGAAAATTGAGACGCTGTGCGCCCATGTTAGATCGGAATAAGGATAG
AAGAAGAAAAGGGTATGAAGT

>trans_s_4815 AJ251686|Catharanthus roseus mRNA for MYB-like DNA-binding protein (bpf-1 gene)

CAAAGTATTTGAGCAGCAAATGCCATTCATGCTTGTTGGCTATATCCGCAGATTGAATAGCAAGGTAAATATT
AGAACAAAGCCTTAACAATAATGAGTAATGTAAGATTTGTATCCAATAGAACTTTATGTACATGTACCTCAAG
CTTCACTTGATCAAACCTATGACTATAGGATCTTACAAATATGGATGTGAGAGAGATTGAAGAGTTCAAGTAT
ATTGCGAAGACGTCACTTGACCGACCTATGTTTGTCAACCATTCTTGACATCTCTTACTATAGAAGAACTTCT
AGCATTAAATGGATGATATAGTTTGAATCCACCAGATATCACTGTGTTTTCTTGAAGCCATCATTCTGGTTCAT
GGGCAATTTCAATTGCAATTGCTTATCTTCTTCATGTGGAGAAAACGTAGTTCGAAATAATGTGTGACCACTGGC
TCAAATGATGTTTATTGTTATCGTATCTTTCTTTTCCAAGTAGACAAGATACTCAATAGAAAAAAATCAAGTG
AACAAGATGAACAATTAGTATGGTTTCTTAATTTAATCCGAGTAACCACTCTAATTTAATGTGATTTAATGATT
TCTGCATTTAA

>trans_s_4816 DQ021448|Nicotiana glauca thioredoxin H (Trxh) mRNA, complete cds

ACTGTTTCCGATTCTATTGGTGATCTGATTTTTCTTCTCTCTTCCCTCTTTTTGTTGGACTGTGGGTGAGAGTAG
ATGGTGATTGATTTCTCCGCAACTTGGTGTGGACCCTGTAGGCTCATGGAGCCAGCCTTCAACGCCATGGCTA
GCAAATACACCGATGTTGAGTTTGCTAAAATCGATGTCGACGAGTTAGCTGATGTGGCTCAGCATTTTGGAGT
ACAAGCAATGCCAACATTTGTGTTCTGAAGAGAGGAAAAGTGGTGGATACAGTGGTTGGAGCCCCGTAAGGA
AGAGCTGGAGAAGAAGATTGAGAAGCACCGATCGGTATCTGGTTCAACTTAGATCCAAAAACCCCAATAAT
AAGTTCTCTCACTCTCATTCTTACTCTTCTTCATCTTTTTATGTAAACATTTGAAAATTATCTATATCCTAACTTGG
TCACGATTTGAATTTAAATATGTTATATAAACTCCAACCTTGTTCTTGTGTTGAAATCAATCTAACTGTCTTCTCC
TTCTGTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGGTGAAATGATTTTTTTTGTGTTACAAAAAATAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4817 AY112180|Zea mays CL40542_1 mRNA sequence

TGGAGAAACCACTAAGGGATCAGGCTTTTGCCACTCCAGATAAGGTGGCTGAATTAGTTCAAAAGGTTAATAC
TGCTATCCAGCAACAGTTGCCTATGGTTATGGAAAAATGAACTCTATCTGCAAACTCTACCACAAGGATG
ATCCTCTTCAATCCTATAAAAGTGAACATTGTGGAAGCTCATCTACAAGTTCAAAATCTGATAAAGGCAGATTA
CTCTTCTGAAGCAATCAATATGACTCCCATTATATTTTGCAAACTCAACTTGATAATCTTCTGTAGATTGCTGG
CCTAGTTTTATTCTATTTCCAACAGTAGCATCCATTTTCACAAATGTTTTATTCTTTGCAAGAATGTGTAGTTTTT
TGTTTGTAATTCAATGTCTAGCCTTCATGCACTTGTTGCCTTCTTTTTTGAAACATTGCTTGGAAGTCAAATG
CCATTTTCTCATTATTTTCAGAAATAACTTAATTTCAAATGTTTACTCGAGTATAACTGATTATTTACCCTTCACA
GTTTGCTCATTATTGAACTCTTTCATAAGCTTAGCCCGTACTTAACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4818 GU592566|Ulvophyceae environmental sample isolate 07090711_722KonACh
elongation factor Tu (tufA) gene, partial cds; chloroplast

ATTCCCCTTCGTGTCGATCTTCATATCTCCCTCACCTCACCGCTTCCAACCTCTGTTCCCTCAACGTCGATCTCCCC
ACGGCAGCTCTAGCATTCTTCTCCGTCCACCTCTCTCCGTCTCTTCGACTACCTTAGGGTCGTTCTCTGTCTTCT
TTAAATCTTTGATCAGTGGAAGAAGTCTAAATTCCTAAGGCAAGGCTTCACTCTTCTAACTCTGCTACTTCT
TCGATCGGTTGCAAAATGAGAACCGCTCAGGTTGCTTTGCGAACTCTTGCGGGTGGCTTATCACGAGGATTAA
AGCAACCTTCTGTGCTCAGAAACCTTTCACAAACGCCGCTCGTGGTAGTGGGTTTGACGATGATAACAAGGG
AAACCCTGATTGTTTTGAGACTGCTGATGACTTCGAACGTCGGATTTTTGGGGTGTTTCTATGGCGGGTTCC
GGAAATGATGCTTTCTTTGAAAAGTTTGATAGAATTGGCAAGCCTCGTGAAAGAATAGGTTCAAACTGAGTG
GAGGAAACAATTTCAAGCGTTGCGTGATCTTGAAGATAATTTGACACTCTGTCAGATGGGATGGATGGCAA
GTTGAAGAAAG

>trans_s_4819 NM_115975|Arabidopsis thaliana ARS27A (ARABIDOPSIS RIBOSOMAL PROTEIN S27);
structural constituent of ribosome (ARS27A) mRNA, complete cds

ACTCTCTTCTTCTGCGGTCGTGAGCTTTTTTCGTTGGCTTTGCAGGATTTCCCTCCCTTCTTTGCGCGACTACTTT
CCAGTTTTTTCCAAGATGGTTCTTCAAACGATATTGATTTACTGAATCCTCCTGCTGAGTTAGAGAAGAGGAA
GCACAAGCTCAAGCGTCTTGTGAATCACCAACTCCTTCTTCATGGACGTCAAGTGCCAAGGATGCTTCAACA
TTACCACTGTCTTCAGCCACTCTCAAAGTGTGTTGATGCGGTAAGTGGCAGACAGTCCTATGCCAGCCAACG
GGAGGACGTGCTAGACTCACCGAGGGGTGTTCTTTCAGGAGAAAGGGTGATTGATGATGCGGTTCTTTGTTT
CATTTTGCTGGGAAGAAATTGCAAGTCTCTGTTTTGATCGATGGGTATATTTATTTTCTGTACGGTATCAGAC
TTGATTATGCTGTCTCTCCTAAATAGATTATATTTGGCTTTAGAGTTATCTGGTTTTGTTTAAAAGATGAATTC
GTGTACTGAACTTTTAGCTGCATTTAGTAAAGCTTAAGTTTCTTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4820 NM_001084222|Arabidopsis thaliana aspartyl protease family protein (AT1G49050)
mRNA, complete cds

AGTGTTTGATAGTGGCAGTTCATACACGTACTTCACAAAAGAAGCATATCCCAATTGGTTGCAAATCTTGAAG
AAGTGTCGGCGTTTGGGCTTATTATTCAAGATTCATTAGATACCATTTGTTGGAAAAGTGAACAATCTATCAGA
TCTGTTAAAGACATCAAGCATTCTTCAAGCCTCTAACGCTTCAGTTCGGGAGCAGATTTTGGCTTGTGTCCAC
GAAGCTTGTGATTCTTCCAGAGAATTATTTATTGATCAGTAAAGAAGGAAATGTATGCTTGGGAATTCTCGAT
GGAAGCCAGGTACATGATGGGTCCACAATCATTCTTGAGACAATGCATTGCGTGGGAAATTGGTCGTATAT
GACAACGTGAATCAGAGAATTGGATGGACTTCATCCGACTGTCACAATCCAAGAAAAATTAAACACCTCCAC

TATTTTGATACACTGTCAGTCTAAAGATAAACTAGTTAGTAATTATTACGTGGCATGCCTTGATTGTTCTCTCTA
TAAATACAAATAGCTTATTTGTGAATAAAATAATAAAAGTGTAAAGCACTGGACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4821 XM_002864646|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

TCGTCGTTCTCTTCGCACATATCTTTACTCCGTGGTTGGCATCCAAGCAGTTCTATCTATTCTTCTTGCAACTTT
TACGGGGTTTGGTGTCTGTGATGAGCGGTACTTCGATCCTAGTTGAGTTCATCCGATGGAGAAGAAGATGGCA
AGCTTCGTTGGAGCAACATCAAACACAGATGATCACACGACCAGGCCAATTCCCTAGAACATCAAGTGATATAA
CAAGAAAACCATTCATTTTCAGATTAATATCGACACCGAACCAATAGATACTACAAAAGCAATAGCATAAGTT
CAAATTGTTACTTAGTAATATACGCGATTTCACTCGCTCAAATCGGTCATGACGAACGTGTGTAAATGAGAA
ATTCGTGTTTGTGTTTACTTGAAGTGTTCAGTCAATGAAGGATTGACTTCATAGACTTCTTTTTGTTTCTTT
TTCATGGTATTTTGTAGAACAAAGTTGCATTGTTTTTGTCTCTTTTCTTTTTCAGTGGTGGATGAGA
GTGCTGTAAAAGTATTTGTGAAAGTTTATGTTAATGTAGATTTGTATTACTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_4822 EU714080|Thellungiella halophila ST225 mRNA, complete cds

GTTTGGTTTTGAGTGATGGGTTCTTAATGGCTGGTTGGGATTCCCCTACTACCGATCCCCAAGAAGTGAGTC
ATCGGAGGAATAAGTCATTGACGAAAGAGGAAATTGAAGCGTTTTGGAAAACGAAGAAACAAGTGATGAA
GAACATCTGAGAGCAATTTAAGTCCATTTGAGACATTGGAGGAAAAAGAAAAGGAAAATGTTGGAAATAAT
CTACAGAGATCAGCCTCTATGCCTCCATTCAATACAAGGAAGGGTTTACTGGAGAATGTGAAATCTGAAACCA
ACTTAGAAAAGCCCGAGAAAAATCCCTGGTGGAGAAGAAGTAACTGGGCGTTTCTAAACGAACACCGGAGA
CAGAAGGGTCGGGTAACAGCTACGTGTGCGAGTTCCACGTTGCAAACATGGCGGCTTCCAGACTTGGCCGTG
GTGGCGTCAGTGCTTAAGCAGCAATGTTAATTCGTTCTTTTTTAATCTTTGTTGCGTTGGTGACGGAGTCG
GAGTGGGTGTGGATGTGATCGGAAAGAAAAAACAAAATTAAAAGATTATGTTGTAAATTAATTGGATTGA
AGGGTGTGTGTATGAGTGTTG

>trans_s_4823 XM_002871968|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1211, mRNA

AAGCCGAACAAGCCAACAAATTCACCATTTTCTACTGCTTCACTACATTTTGCTTCTAGGACTCCTGTTTCAGGG
GTTCCGTCCAGACTGATTCAATCCATTTTCCCTGGACCAAGGGCAGATCATCATTGAAGGCATCGCCTTCCTC
ATGTGCTAGCCGTGACTACTACTCAGAATCACTCCGTTCACTCTGTTTCCAAGGATGCCGAGCTCGAAGGGA
AGCTTGAAGGCCGTTGTACCATTCCAATGGCAGAACAAATCCAGCATCCTCCACCAAGTCGGAAGAAATTGC
AGCTGCGTCCCAGAGCTGAATCTCATTATCATTTGTTTTCGACAAATTCGGACAAGTTTACACCATGCGAC
GATCAGTTCAACGAAACAGGAGGGATCAGACACAGCATATTGTCTTGGCACACACCATTAGATGTTTTGGAAT
CATATGCAGATACTACCAAAGATAACCATTTGTAAACTTATTCATTGATTTTAGAAAAGCAATTTTGCAAGA
GCTACTTTGTACCAATTGTATTTTATTAAATGTACATCACATGCTGATGAAATCGGTTTTAGTCGAATAAACTC
TTTTAACCTT

>trans_s_4824 D86306|Cucurbita moschata mRNA for proton-translocating inorganic
pyrophosphatase, complete cds

AAGTACATCGAGGCTGGTACCTCTGAGCACGCAAGAACCCTTGGCCCGAAAGGATCAGATCCACACAAAGCT
GCTGTTATCGGGGACACAATCGGAGACCCACTCAAGGATACATCTGGACCTTCTCTCAACATTCTCATCAAGTT
GATGGCTGTGGAGTCACTCGTGTTTGTCTTTCTTTGCCAGCCACGGTGGTATTCTGTTCAAGATCTTCTAAG
AATGAAAGAGGAATGAATCTTTGTGCCATTACATCATCTCTCCTCCTCCATTGACATAACCTCTCCCTCTAC
GAAATTTTCAATGCTTTTTTTAGACTTCATATTATTATATGTTCAAGTCTGTAGCTTTGATTCCCTTTTGAGAAAC

TTGTAGTTTCAAGTGGCAGAGCCTTTTACCCTTTCATCGGTTGTGATGATGATGATGAAGAAGAAGAAAGATA
AGAAGATAAATCGGTCAAATCTTGTGAAATGAGACTGCGAAGTTAAATTCTCTTTCTCCCAATTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4825 NM_001058585|Oryza sativa Japonica Group Os04g0117100 (Os04g0117100)
mRNA, complete cds

AAGCTTCAAATTCCTAGGGCTCCTCTCTTCTTCAAATCGGCTTCTACTTCTAACATAATTTTCATTCTTTCTTCTTC
TCTATTTTCCTTTGCAAAATCCTTTGATGGCACTTCTCCAGGCCCTATTCTGGAAGTAGCACCTCGCTTTGG
TTGCTCGTGCTTCGGCGTTCTCTGTTGGGCTTGTCTACGGAAGCCTCAAGCTCAAGTACCTTCAGGCGAAGGC
AAAATCTCACAAGAAAGCTGAAGCAAAGGCTCATCACTGAGGTATGGCTAATTTCTGGTCCGTGTCAAAAACGA
GGCACTGGTTGAATTCGAAGGGAAATAATACATCGTAGTTGATCAAATTTATTTTCTTTGATACTTTTTTTT
CCATGTTGCATTGGATGGCTTTATATTTCTTAAGAGTCATATAGATGTATCTTACATCGGTCTTAAGGACTAT
ATTTGAGCTACAATTAGTTTTGATGGATTGATGAGAGGACAAACAGATCACGATTCCTTCTTTGATTGGAAAT
GAATAATTTGCTTGTCTGTCTTGGTGCAGGTGTTGAGTTAATTCATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4826 BT015472|Arabidopsis thaliana At2g31670 mRNA sequence

AAACTCAAGGAGAATCTGGGCGACGAAGTCAAGGGCCAGATCTTGGAGGTCATCGCAGGGATGAGGGAGAA
ATTGGGGCCCAATGTCCAGCTGACGGTGGGCGACAACCTTTCCCGGCCAGAGCCAAGGGTTTCTCAATCGCT
TCGATTGCCATTTTCCAGGGCCAAATGAGTTGGAGGCGGCGCTTCAGACAAAGAAATGGTGGAATTGCAG
AAAGAGAAGGTCAGGGAACATTTGGAGAGTGTAATTGTGGTGGACTACGTGGTTCCGCCGCCGAAAACGGC
AAGTCTCTAAACCATCTACGATCGTCGCTACAAAGTTCCTGGTGAACAATGTCTGTGGCCAAGTGTGAAATA
GAATAAAAGCGTCCTCCATTGATGTATGAATGGCAGACGCACTTTTGAAATTTTAGCATTTTAATGTTTTTGGG
TTTCTTCTGTCTGTTGCATTTAACTTGAAAATTTAGTAAATCTAATGTTCCATCATTGAAAAAGAAGAA
GAGTAACGGATAAATACAAGCAATTATCAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4827 AF369569|Arabidopsis thaliana membrane protein Mlo8 mRNA, complete cds

TTGTTTGGGTTTGTGTTTTGAAGCTGAGAAATGTTTCTGGTTGTTATTATTTGTGTTTGAGTTTGTTGTGGGG
GAAATCGTGGGGAGCTCCGGCCAGCGATGGCACACGAGGGAGCTCGATCAGACTCCGACGTGGGCTGTTG
CTGGTGTGTTGTGCTATTATCATCCTTATTTCTATCGCCTTGGAGAACTCCTTCATAAAGCTGGAACGTGGCTCA
CGGAAAAGCACAAAGAGAGCTCTCTTTGAAGCTCTGGAGAAAGTTAAAGCTGAGCTGATGATTCTGGGTTTCAT
TTCTCTACTCCTCACCTTTGGACAGAACTACATCATTAATAATCTGCATTCCCACGAAGGTTGCAAATACTATGTT
GCCATGTGCTGCCAAAGAGGACAAATTGGAGAAGGCAGATGAGGGCGAACATCATCGACGACTACTAATGTA
TGAACGGAGGTTCTGGCTGCTGCTGGTGGCGCTGTTAGTTGCAAAGAAGGTCATGTCCGCTTATATCTATC
TCGGGATTGCATCAGATAAATATTTTGGTTTGGCAAGCCTCAGCTGGTTCTTTACCTCATCCACTTCGCTTTAT
TTTGAATGCATT

>trans_s_4828 AJ007792|Arabidopsis thaliana msh6-2 gene, exon 1 to 17

AATCAACGTCGAAACCAAATCATCCATATCCAATTGTCTTGATTCTCTTTATCCATTCTCAAATTCTCAACAACA
ATGCCGAGCCGATTCCCCGGAGCCCTATCTCAAGATTGGGAGCCAGTAGTTCTCCACAAGGCAAAGCCAAAA
GCTCAGGCCCTTCGTGATCCGAAGGCAGTAAACCAAGCGATACGATCCGGCGCACCGGTTTCAGACAGTGAAG
AAATTGCAGCCGACTTGAACAAGAAAGTCGCAGCGGCGCCAGTGAACGCAAGGAAGCTGGACGAAGGGAC

CGAACCGGCAGCGCTGGACCGGGTGGGGTTGAGGTGAGACAGGCGATTGAGAAGGCTCGAGTGGAGAAG
AAGATGAGCCAAGCAGAACTGGCGAAACAGATTAACGAGCGGACTCAGGTTGTGCAGGAATATGAAAATGG
GAAGGCGGTGCCGAATCAGGCGGTTTTGGCAAAGATGGAGAAGGTTTTGGGCGTGAAGCTTCGAGGGAGAT
CGGGGAAATGAGATTTTGGGACCAAAGCGTTTTCTCATGTTGTGGTTAATGAAGGATTTTGGTGGTTGTTT
ATTGGATGTGTGAATATTGTGGGAA

>trans_s_4829 EU041721|*Pisum sativum* ribosomal protein L30e mRNA, complete cds

TTCATTTGGCGAGTGCAGCTTCGAGTCTTCAATCATGGTGGCCGCTAAGAAGACCAAGAAGACCCATGAGAG
CATCAACAACAGACTCGCTCTCGTCATGAAGAGTGGGAAATACACCTTGGGATACAAAACCGTCCTCAAAACC
TTGAGGAACTCTAAAGGTAAGCTGATCATCATTGCCAACAACTGCCCTCCACTCCGAAAGTCCGAGATCGAAT
ACTATGCAATGTTGGCCAAGGTTGGAGTTCACCATTACAATGGGAGCAATGTTGACCTTGAACCGCATGTGG
CAAATACTACAGAGTATGCTGCCTCAGCATTATCGACCCTGGTGATTTCGGATATTATCAAGAGCATGCCCGAA
AGTTAGATTTCAACTTCGTTTTAAGATCATAGAATTTTGTTCAGAGTTTCTTCTTGATTTTGGGTTCAATGTAG
TGATGTGTTTTGCTTGAGGCATGATATTATTGAACAAATGGTTTCATTATAAACCCCTTTTTTTATTGTTCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4830 AY188241|*Eucalyptus globulus* small ribosomal protein 4 (rps4) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

TGAGACGGGGAATAACCCCCCGAAACGATCTTAAAAACCAATCGCGTTCCGGTAAAAAATCTCAATATCGTA
TTCGTTTAGAAGAAAAACAAAATTGCGTTTTATTATGGTCTTACAGAACGACAATTACTTAAATACGTTTCGT
ATCGCCGGAAGCCAAAGGATCAACGGGTCAAGTTTTACTACAATTACTTGAAATGCGTTTGGATAACATCC
TTTTTCGATTGGGTATGGCTTCGACTATTCTCAAGCCCGACCCGGCTTAATGTATCACATATTTAGTTAATG
GTTCTATAGTGGATATACCAAGTTATCGGTGCAAACCCCGAGATATTATTACAGCAAAAGATGAAAAAAATC
GAGAACTGATTCAAAATTATCTTGATTCATCCCCCCTCAGGAATTGCCAAAACATTTGACTCTTCAGCCATT
GCAATATAAAGGATTAGTCAATCAAATAATAGATAGTAAATGGGTGAGTTTAAAAATAAATGAATTGCTCGTT
GTAGAATATTATTCTCGTCAGACTTAAACCTAACTAAAAACAAGGGTTCGGACAATTCGTCCTCCCCCTTCGC
CGAAGAGATT

>trans_s_4831 NM_120886|*Arabidopsis thaliana* TOM5 (MITOCHONDRIAL IMPORT RECEPTOR
SUBUNIT TOM5 HOMOLOG) (TOM5) mRNA, complete cds

GCTCGCAATACGCCTTCGCTCTCTGTACTCCGCGCGAAAATGGCCGACGATTCCAGCTCGGTGAAGAAGGTGA
AGAATCTTCTCTTTCCGGTACGGCGAATTCCGTCGAGACTGTGAAATCCTTTTCAATTCTCAGGTTTATGACG
AAGAAAAGTGGGCCTTGAACATGAAATTGCTTCGTGCCGCTGGGATGTTTGCAGGATCCATTCTTCATGCG
GAATTACGGAGATCTGATGACAATATGAGAGTTTGCGAGAGGGCAGCAATTCTTAGCGCATTACGTTTCTCTA
CTTCTTAGTTTGTACAGCTTTATTCAATTCGAAATAGGAAGTTTCGATTTTTTGTCTCTTGGTCAAACCTGATG
AGAATGTGTTCTCTTTCCCTTTGTAGTAGACCAATCTTTTAAATGCACTCTTTTACCTAAAACAGACTACAA
AATTAATAAAAAATGAAATCCAAAACACTTGATTAGACCTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCTCAAAAACCTTATCAAACC
CGCCAACCCCA

>trans_s_4832 NM_106177|*Arabidopsis thaliana* 5' nucleotidase family protein (AT1G75210)
mRNA, complete cds

>trans_s_4833 AL161512|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 24

>trans_s_4834_AJ012654|Prunus persica mRNA for ribosomal protein S28 (rps28.2)

>trans_s_4835 AB070626|Cucurbita sp. cv. Kurokawa Amakuri pAPX mRNA for peroxisomal ascorbate peroxidase, complete cds

[illegible]

>trans_s_4836 AY105792|Zea mays PCO111792 mRNA sequence

TATATGCACACAAGCTACTCAGCAAAATTGAAGTGTCTCAAAAAGAATCATACAAACAAGTTTATTTGAGAC
GATATTAGTTTAAATGAATGGTTGTTGCACATGGTGGTGGTGATGATGGTGATGGTATTTTCCATATATTATC
ATCTACAAGAATTTACAGAAGATGACATCCCAAATTAGCATTGGCGTGGTATACCATTGAGAGCAGCAAGATA
CACACGCTTCTCTGGAAGCCCAATATCCGAAAGCATCACATTTCCCTCTTTCGCCATCAACCTTCTGATATTGTT
AGCATAAAGCTTCGGATCATCCTTTTCTTCTGGTGATGGGACATAGACAGGCAATCTTATTACCTCCATATGAT
TTACAAATTGACAGAGAAGAAGTAGAAAATGACGGCCCCCTGTTATTGATTCCCAGGCCAAACTAAATCTCTG
ATATGGATATCTTAAAATATATGGAAGAACAGGAGCTTTCGACAAAAAGGCACCCGTTTTGAATGGCAGGAG
ATACTCCCCATTGGTGGTTGTTCTTCTGGAAAAAGCATCATCATGGGAGCAGAGCTATTCTTCACAGCTTCTC
GAATTCGTTCA

>trans_s_4837 NM_001071949|Oryza sativa Japonica Group Os10g0565100 (Os10g0565100)
mRNA, partial cds

AATGCACAAGAGTGGAAGCTACAAATGGGAGGATCATAGACCTCCATCAGGTGTATATAAAGGAACAAATGG
TGGAGAAGTGATCTCTTTCAGTGTTGTGATGATGATCAAACTGCTGCAGACACTCAAGCTATGTCAAAGGTT
ACAACCACAGGAGCCATGACATTTTCTTTCATAAAGGCCATTGAAAGTGGGGAAGCACTACTTATGGTAATA
TGTTAAATTCAATGAGATCCACCATTGTAATACCGACCTTAACCCAGGAGGCGACGTCGTTACTAGCCTAATC
ACTATGCTTTTATCAGGTGGAAGTTTTTTGGAAGACTCGGACAGGAGCCACAGCTAACTGCCATTCAACATTC
GATGTGTACAGCAAGCCATTCTCCTTGTAAATATTTGTATATTATTGTGTATTTATTACAAGTTTCATCAATCTTTT
TTCTTTTAAATTCTTAATTTAAACAATCTTTTCTTATACTAGAAATTGAGATTATACCAACGTTTTTGTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_4838 AY110461|Zea mays CL187_5 mRNA sequence

AGAAGATTTTACTAACAACGAGAATCCGAAATCTGGCCGGAATCTTCTACTCCAGCCAAGCAAGAACGAGTA
GAGAATGGGTTGCAACACAGTCCAACCTTACCTAGCTACATGGCAGCAACTGAATCTGCAAAGGCAAACTG
AGAGCACAAGGATCTCCAAGATTTGGACAGGATAGTGAAAGAAGTAACCTCAACCGACGTCATTCTTACCCT
CGCCCACTAATGCTAAAATTAGCTCACAGTCTCCACGAACACAAAGACTCACTCAAGCGGGTGGCAAAGGAG
GAAATAGAAATGATAAGGCACTTCTGGGATCAAGAGATGGAAATGGAAAGGTAATCCAAGCAGACTGGAGA
AGGTAAATTTGGGTTCTCAGATGTGAAAACCTATTGAGGGTGAATTTTCATCTGAAGGCTTTTTGATTCTGACAT
TTGTGATCAGCCATCACCTATTCAAGAACCGAGTCCATCTTCTGCCAAGGAGGGGCTGCTGAGGCCAATATG
GTCTTATCTGATTATCCTTTCATCTTGTTGTTTGAGTGCATGTACATCATAGGTTTAAGTTTTTTCTTCTTGT
TTCTGTTTTTTTCC

>trans_s_4839 AY139764|Arabidopsis thaliana AT5g42220/K5J14_2 mRNA, complete cds

AATCCAAATTTTCAGATCGACTCTCAAGATCTTGCTCGAAGGATCACATCTACCAATTCACCAAGGGACGTCTT
TCGTGCTGTAGTTGAGAGCTCAGCTCGGCTTTCTGGCAGTAGTAGCGAAGATATAGCAAATGAGTTGTGCAGC
GATGAGAGACTTGCTAAGGAATACGTAGAGATGTTATCCAGTGATGTAAACCGACGGTTACAAGGCAATTCC
GATCAGGAAAAGTAAATTAATACGTGGGGAAGCCGAAGAGGGTATATTATATTATATGATGATTCATGGGT
GGAACAGTGGCTTTGCTTGTTGGTAATGGTGAATTGATTATTTATCCTTTCTTTTCCCATGTGCTTTGTCGTTA
TACACAAGATGATGCTCCAAAGTAACTTTATGTTACCATCTCCTTTAAATCATGTTTTGCATTTTTTTATTGTAGA
TTCTCTAGGTTGTAAAATACCTTCCTTTTTTTCCCCTTTCTTTTCTTTTCTGGGTTATAAGACAATGGAGATATT

TTCGAATCCTCTTGAGATTATTATTATGAAATTCAATATTATTTATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4840 FJ911553|Cucumis sativus sedoheptulose-1,7-bisphosphatase (SBPase) mRNA,
complete cds

GTGCCTGTTGGTGCTGCAGTTTAAGCTTAAGCAGTGAAAGAACATTTTCCCAATTTTTTCTACCTTTGCTTG
TTGAAAACAGAATTTAATCTTTCAGTAGAAGCTTGATGAATTGTATGATAAAAATGAAAATGTTCAAGCTATT
TTGAAGTTTGGCATCACAGCTTCGAAGGTTAAAATTTCTTGTAAGTAATTTTTTAGAAGCCAAACGAACTA
GCTTCTCTGAGCTCGGTTTGCCATGCAACACCTACCAATAAACTGCAATTTTCTAAATCGTTAAATTAATCA
CGTCTAGAATAATATGAATCATCACAGCCAGCAATAATGGAGCATGATGAGATTTCTAGCTGTCGTACCCCTT
GAGGAAAGTAAATTTGATGACTAACATAAACTTTTGGCACTTTCTGCATATACTATAGTATTGTAAATATCAAA
GATGTTGACCTTGGATTTATCTCCTGAAAAGCTCCAGCCTCTTGTTACCTTACGTGCTAAACTTAGCTTTACG
TGATCTAAGATTTATACCAAAAAATTAAATGTCTTCTGAATAAACCTTCTTTGTAACATACTTCTCCATGTTGG
CTT

>trans_s_4841 AB372265|Capsicum chinense mRNA for C2 domain-containing protein, complete
cds

ACATCTCTTCTCTGTTTCCTTCCACGAACAACACACCACGCCGCTTCTCTTCTTTATATACAAAAAGGGTA
AAAGTTTTTGAAGGGCCAAGTCGACTTTAGAATTATACCCATCTCGCATTTTGATTCTTCCATGTCGACATATAG
CATTGAGGGTCAACCTCTTGAAGTCACCGTTATTGGATGCACAAAGTTGAAAGATACAGAATGGATTTCAAGG
CAGGATCCTTACGTGTGTCTTGAATATGGTAGTACAAAGTTTCGTACCACCACTTGACAGATGGTGGTAGAA
ATCCAACATTCCAAGAGAAATTTGTTTTTCTTATTGAAGGGCTAAGAGAGATTATTGTCACAGTTTGAAT
AGCAATACAGTTACTTATGATGACTTTATTGGCAATGGAAAAATCCAATTGGCTAAAGTTCTAGCAAAGGGT
ATGATGATAGCTCATGGTCACTTCAAATAAACTGGCAGACATGCTGGGGAAGTACGACTGATACTACATTT
CGCAATGCCAATAGACCTACATCAAGTTTTGCGCCCTCAGCACCACTCCACAAGCCTCACCTTTCTATCCACC
AGGACCT

>trans_s_4842 CP000591|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 11, complete sequence

GATTCTGGTGCTGATGAGCCTTCATCTAAAGAGAGGTTCAAACTTTAGAAACTCATCAGATGCAATAGCTA
ACGACAGTGCCATAATCAAAATTCTATACGGGAATGAAGGACAGTTACAGAAGTCAGGCGATAACCCAAATG
AGAAGGACGGCGATGTAATAAGAATAAAGCCGGGGATGGTGAAGGATTATAGTGGTTAAAAACAGGAGA
AACAGACAGCAGTTCACAAATGGGGTGGCTGGTCTGTACAACCAGCAAATCTGTGCTTCTGTTGTTGAGATT
ATTAGGCAGAAAGAAAGAAACCGATTCAAGGGTCGCTAAAGAAATGGTTATCTATGGCTGGAGTTGCTCATT
CTGAGTTCAAATCTGGAGAAACAAAGGATGCAATTTTGC GCGGGAATAAAAAACAGTGCATCTGGGCAAACG
AATATGAAAGGCAAGTTTCATCTTTTAAATTTGATTCTGCTGATTTTGTAGTTGCAACCCCACTTGTGAGCGT
GCTGATAGTCTTTGCAAAAGTGCTCTTTTTTCTTGTGTTTGTCCATTATCATTGAATTTCTTAGATCAATA
AAAGGGTAAATTT

>trans_s_4843 AY109784|Zea mays CL13738_2 mRNA sequence

AATCTTCTTCGTCTGCGTTTTCGTTTTCAATCTTCAGTTGCAAACATTTTCAATTTTCGTCTTCTCTCCACCTTTTG
TAGAGGGGTTCTTAATCGCTGTCTAATATAAAGTGAATTAGAGTCTGATAAAGCTCTAGGAATGGACCCCAAG
CACACGGTAGAAATTTTGAAGCATTGGAGAAGCAGGATGAGTTTCTTATGGATGCTTATAGATCAATGTCCC
ATGAACTACATAAACTTCAGGTCGAAGAAGAAATGCTGATGCGCAAGTTTTATGAAATAATGTCAGCTCATGG
TCTAGTAAAGAAGAATGAAGAGGATCGTAATAGTTCTGGCAGCGCAAGGAATGGCGATAACAACAACATCGA

ATAAATTGCCGCAGCCACTCGGTCCAAGGAAAGTCTCAATGTGACTCACATGTATTTACATTTTGTTCCTTAG
TATAAATGAAACATTCTTTTCAAATATAGAAAGTAGAAAGGAAAATGTAATTTAATTCATTAATCATTATTA
CATACATGAATAATAATTAATAGATTGTATTGGATATAAAAAATATAACCGAACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4844 NM_115135|Arabidopsis thaliana FTSZ2-2; GTP binding / GTPase/ structural
molecule (FTSZ2-2) mRNA, complete cds

ATGACCTTGTGGATCCAACCGCTAATCTAATATTTGGAGCAGTGATAGATCCTTCACTCAGTGGTCAAGTCAGT
ATAACTCTAATTGCTACTGGATTTAAGCGCCAAGAAGAAAGCGAAGGAAGGCCCTTCAGGCCAGTCAACTAT
CCCAGGGAGACAACAATTTTGAATCAACCGTAGACCTTCTCTTTGACTGAAGGTAGTTCGTTTCGAAATCCCA
GAATTCTTGAAGAAGAAAGGCCGCTCACGCTATCCTAGAGCCTAATAACCTTAATTAAGTTGGAACATTTGTTC
GTCACCACGACCTTCTTCTACGTACATATAATATGCTGCTATAGGCGGTAGTATCTGTATACCCTCCTTCGGT
TTCGTTACTCTGTATATTTGTTGAGTAATAAATAGCTCATATATTGCTTATCTGTAGTTACAATATGAAATATAT
GTTTCTAGCTAAAGAGCTTGAGTTAGTTGTGATCTTTTGATAAAGTTGCTCGACAGTAGTTGTTTCAGCAAAAT
ACTCTAATGGCTGAAGTCAATATGAAGTAGTGTTCTTGGAATTGCCTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4845 NM_001071533|Oryza sativa Japonica Group Os10g0503500 (Os10g0503500)
mRNA, complete cds

TGCGTTTGATTTACTGGTAGCCAGATTGGATTTGGTTTCTGCTTCTTGATTTCTCCCTAAATCCAGCTTTATGT
GGAACCTTGTGAAGTTTACTGCAGCGAGTTGTCGCCGATCTAGGTGGTTATCGACTGCGATTCTGGTCCTTG
TATTGTCCATAAGCGCGGTGCTGATATTCTACACGATCCTTCGTTCAACAAGGATACTGGATTTCTCTCACAG
AACGAGACCGTCTAGGAATCCGTGGCCTTCTTCTCCACGAGTAATATCATTTGAGCAACAATATGCTCGTTTC
ATGGAATCATATCGGTCGCTGGAGAGGAATACTCATGGCCAACCAGATGGCATTGTTTCATTGGCGAAATGG
AGGATTTTAAACAGATTGCATGATAGGAATGAGACACTGTACTATCGAATTCTCCAGTAATGCTAGATATTG
GCACTAGCAACGAGAAGTTACTTAATGATCGTCTTTGTAAGTGAAAGAGAAACCTTCATGTCTTTTATCTCCAT
ATTTTCTTGTAATGTATTGTGCTTATATTGCTCTGTTTCTGTTGTACAATGGTGATATATCTGGGTTTTTTTTGT
TGTTT

>trans_s_4846 AB290016|Fagopyrum esculentum FeATG8-1 mRNA for autophagy-related protein
8, complete cds

AACGCAAAGACAGCGCTAATGGGAAGAACCAAATCCTTCAAGGACGAGTTCACCTACGAACAACGATTTGAG
GAGTCGTTTGAAGTCTTGGCCAAGTATCCTGATCGAGTCCCCGTAATTGTTGAGAGATATGGGAAATGTGAAC
TTCCTGAGATGGAAAAGAAGAAGTACCTCATTCTCGAGACATGTCTGTTGGCCAATTCATCCATGTTCTAAGC
ACCAGGCTTCGTCTAGCACCTGGAAAAGCCCTCTTTGTATTCTGTAACAATACTTTGCCTCAAACAGCTAGCTT
AATGAGTACGGTGTACGATTCATACAAGGACGATGATGGCTTTCTGTACATGTGTTACAGCAGTGAAAAAACC
TTTGGCTGAGACTAATCTTGATTGAGATTAACGAATGCTGAAGCTGTTGTATATTTCTGTAATCTCCTTGTGTGT
CAATATATATATATATATTCCTTGGACAAATTTGTTTTACTATGTTGACATTATCCATAAATTATAATGTTAATG
TGTATATCCCTTCATATTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4847 X60158|H.vulgare PsAG mRNA

AAATCGAGAAACAGAGAGCCAAAAATGGGTGGCCGTTCTTCGTTTTGTGGATTAACAATGGTGGTGGTGGTG
GTGATGTCGATAACCATCCTGAGTTCAGCTACAGCTGCAGAGGTTTCGTTCTGATGAAGGCCAACGCCACGT

ACGGTGGTGTGTCGACGACCGAGATGATCATCTACCATGATATAACTCGGTTTCTCATGCCCCAGGTTCCAA
ACCAGTGACAGGTAACACCGGTGAACCAAACATCGTGCCATGTAACAATGGCCCCGAAACCAGTTTGGTCA
ATGCGGTGGTAATGCTAATAATCAACAACAGTGCAATCGATACGACACAATAAACCTTGCTAATAATCCCTTC
AGTTCCATATTAATATGATCACTATGACTCTGCTGTTTCTATGTCATCATGTAATCCCCTCTTCTTCTTCTTTT
TTGTTTCTCTTTAAAGTGGAGTTCGTTTGTTGTGGGTTTAAGTTAACAATGTATTTGGGTGTTTGTTGTTGT
TTGTGTGAAATAAGAACTAAATGAAATCACTCATCTTCTTTCTCTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_4848 NM_122281|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing
protein (AT5G23760) mRNA, complete cds

GGCCCTTTTATAGAATTGTTTGTCTGTTCTTATTGTTGCTAAGAAGAAATAGATAAATGTAATTAATGGTTTATTT
GTACAATGCAATTGAGAAATATAAAGTAGAAAGGTAGCTTCTTTCCTTTATATATGTGTTTTGATATTATGAAA
ATGATGAGTATTTAAATTAGAATATTCTCAAAATTGACAGAAGAAGGAATTGTAAGTTTTTAACATCAATAGT
TTTACTTTTTTTCATCTTTATTAGCCTCCTCTTCTTGGGCTCCTTTTTTTTCATCCTTTTTCTCATCCTTTTTCTC
CTCTTTCTTCTTACTTTCTTCTCTTCTTCTTGCAGGTCCGACTGATATTATATCCACTTTTCTACTTTGTTCAATT
TCTTCACTATCGCAACCGCGTCCATCGATCCTACCACCGTCAATTTCTGATCCTTCAGATCCGCCGCGATCGAAT
CAACACCGTAGATGTCTGCCGAGCTTCGATTGCTTCTGCTTCGTCTTCTCGTCCGTCATCGTCATCACCTTCA
GCACAACCTTCTGAGCCATTTTAGTGAAAGGGGAAAAGAGAGATGAAAACCTGAAATATGAAAAAAT

>trans_s_4849 Z24738|B.rapa ubiquitin and ribosomal protein mRNA, complete CDS's

CGAGCGGCGCCCCAAGATGCAGATTTTCGTGAAAACCCTAACGGGGAAGACGATTACGTTGGAAGTTGAGTC
CAGCGACACCATCGACAATGTCAAAGCTAAGATCCAGGATAAGGAAGGTATCCCCCTGACCAGCAGAGACT
TATCTTTGCCGGAAGCAGCTCGAGGATGGGCGAACGCTCGCTGACTACAATATCCAGAAAGAGTCGACACT
ACACCTGGTGCTCAGGCTTCGTGGTGGTATTATTGAGCCGTCTTTGATGGCATTGGCTAGGAAGTACAATCAG
GACAAGATGATCTGCCGCAAGTGCTATGCCCCCTGCACCTCGTGCTGTCAACTGCAGGAAAAAGAAGTGT
GGACACAGCAACCAGTTGAGGCCAAAGAAGAAGATCAAGTAGACCGTTGATTTTGATCAGAGAGTATGCAA
AGTCTATGCTTTGATTTATTTTCAGGATTGCTTATGCTTAGAGCCATTTGGCTTATACTCATTAGGAGTTTGAAC
TGTTATGTTTTTGTCTTTTAACATTCTCGAGAAACGGCATGTTTTGTTGTTGAACTGAGTACGAAATTTTCAGC
TTCTTATTTCCC

>trans_s_4850 NM_105064|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT1G63900) mRNA, complete cds

CTTTTTCATCCCAATCCTTCCCATTCTTCCAATTTTCCTTACCAGATTTTATTTCGTTCTACAATCCACCCAAGAAT
TCCTACTCCCAACTACCAATTGCCAATTCAGTCTGTTGTTTTACGTATTATGAAGACTACAGGTTTCGAAATC
TGAAATTGGGAATCTGCTATTGCTTGTTGAGAATGCTTCCGTGGGGAGGTCTTAGCTGCTGTTTGAGTGCAGC
TGCTCTTTATCTTCTTGGAAGGAGTAGTGGCCGGGATGCGGAGTTACTGAAATCTGTCACGCGGGTCAATCAG
TTGAAGGAATTGGCTCAATTGCTTGAGGCAGAACATTTGTTACCTCTGGTCGTTGCAATTTCTGGAAGAGTTA
GCTCTGATACCAATAAATTGTGAATTTAGTGGTTTAAGGGGTGTAATTGTGCGAGGAAACGGCAGAACAAAC
ATTTTCTAAAGCACAAACGATGCAGGATCATGGATTGAGGATTCTGCACTGATGCTCTCCATGAGCAAAGAAGT
TCCTTGGTATCTGGATGATGGGACTGGGCGTGCGTTTGTGGTGGGAGCTCGTAGTGCCACAAATTTTATATTA
CCAGTA

>trans_s_4851 BT026416|Arabidopsis thaliana At3g27880 mRNA, complete cds

ACAGCATCGTCAAACAGGTGGAAATTTAGGGATCTTCTATACAATAACAGTCGAAGTAAAAGTGAAAGAGAG
GATGAACTTGTGAAGAGGAAGTCGAGTATTATGAAGAACGATGAACTGGAAATGTATCAAAGGGAAAGGT
AGATTATAGGTCTGGTTTCTTCACATCCTTCTCTGCACAGAACGCTCAGTATGGAAGGAACAGATCGGTGAAA
GAACCGGAAAAGAGAAGATCCTACTTGCCATACAGACAACATTTGGTAGGATGTGTGGCTGATGCCAAAGGA
AGGATATAGAATTTGCTTCCAATTTCTGAAGATTGTTTGTGGATGCATTTCTGGAGCACATAACTATGATTCA
AAAAGAACTGAAAAATTGTGTAGTTTCCAATCAGGTTTAAATTAGGTTTGTTCGTCTCTATAATTTTGTATAT
TTCATCAATTCTTTTTCTGTTCCAAAATGCTGTTTCCTTTGTTGTGCTGTGTATTACACAAATTACAAGTTGCT
TGTGATTGTATCCAATCTTCCTTTAATGAAGACGATTCACAATGCGTTTCATGTGCGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_4852 NM_001084418|Arabidopsis thaliana ALDH6B2; 3-chloroallyl aldehyde
dehydrogenase/ methylmalonate-semialdehyde dehydrogenase (acylating)/ oxidoreductase
(ALDH6B2) mRNA, complete cds

CTACTGCTAGATGGGAGAAATATAGTGGTTCCTGGATACGAGCATGGAAATTTTATTGGCCCTACTATCTTAAC
AGATGTGACACCGGACATGGAGTGCTACAAGGAAGAAATATTTGCCCCAGTTCTGCTTGCATGCAGGCTGA
AAGTTTAGAAGACGCCATTAGCATCGTTAATGGAAATAGGTATGGCAATGGAGCTTCCATATTCACCACATCT
GGGATAGCCGCGAGGAAGTTTCAATCGGATATTGAAGCTGGACAGGTTGGGATCAACGTTCCAATTCCAGTT
CCCTTGCTTTCTTCTCGTTCACGGGCTCCAAGGCATCTTTTGTGGGGATCTCAACTTTTATGGGAAGGCAGG
GGTGAACCTTCTTACACAGATAAAAAACAGTGACACAACAATGGAAAGACTCAACTGGAGGGAGTGCAATCAA
TCTTGCAATGCCAACCTCTTTGAAGTCATAGGTCACACCCTCTTTCCTTTAACTTCTTGTAATTACTCTCAATAAA
TCTTTATGCACCTTATTTTCAGTTCATATAAATAAAATTAAATACTTTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_4853 Novel Gene

TGTTTATTGGGATTTCTCGAAATTCAAAAACGGTCTATCTTTCGTTTCAGACAATTTCAATCCGATCGTTCATCAA
TTTGTAAAGTAAAAGCTCTGATTCATTTTTAGTTCTTTAAATTCAATCTTTTCATCTGTATATCGTCTAAGAATAG
GTTGGCTACTCTGTTTTTTTCGATTTTGTGAACTAACAGAGTTGTATATAAGTACTCTAAACCCTAAATTTCTT
CTCATTTTTAGCTGATTATTATTAGCTGAATCTAAAGAAGTTTGTTGTAAGCATGCATACTTGTAGTTCTCTGGG
AATTTCTACCATCAAACCTTGTAGGATTCTTATTGGCTTCAAATCATCTTCGATGTTTGGAAACAATCGCATCTCC
CAAGCTAAAGTACAAGAGGATCGGTAGATTTTCGAAATTAGAGCCAAATAGGTGTAAAGTTATAGGGTCTGT
ACAGGTTGTCGATAAGTTAAGTAGGAGATGTTTTTGTCTTCTAATGGTTATCGGTTGTATAAAGGTAGCAGT
GATAGAAATAGGCATTTGATTGCAAATGTAGCTTCGGATTTAGAAATCAGTCGACGTCCCGGCTCAGATAAC
A

>trans_s_4854 XM_002890110|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TACTTGATCGACGGAAGAGGCTCATTATTGCAATGGACGCAGCATTTGGAATGGAATATCTGCATTCAAAGA
ATATTGTGCACTTTGATTTGAAATGTGACAACTTGCTTGCAACTTGAAAGATCCTTTTCGGCCAATTTGTAAG
GTTGGAGATTTTGGTTTGTCAAAAATAAAAAGGAATACCTTAGTCACTGGTGGTGTGAGAGGGACCCTCCGT
GGATGGCTCCTGAACTACTTAATGGTAGCAGCAGCAAGGTTTCAGAGAAGGTTGATGTATTCTCCTTTGGTAT
TGTCTGTGGGAGATCCTTACTGGAGAGGAACCTTATGCAAATATGCACTACGGAGCAATCATAGGAGGCAT
AGTAAACAACACATTGAGACCACCGTCCCAAGCTTCTGCGACCCTGACTGGAGATTGCTGATGGAACAATGC
TGGTCTCCTGACCCAGTAGCCCGACCATCTTTCACAGATATAGCAAGGCGTTTGCGTGTGATGTCTACGGCTG
CCCAACAAGATCACCACAGAATCAGATGCCCCAGTAATCAATCAATCGTCTTTGAAGATTTATGCATACCCTC
CTTCCCTT

>trans_s_4855 AF097667|Mesembryanthemum crystallinum protein phosphatase 2C homolog (PP2C) mRNA, complete cds

TTGTGGTCTAAGGATCTGGGGCACCATGTTTATGGACAATTCTCCATGGCAGTAATCCAAGCTAATAATGTGG
TGGAAGATCAAAGCCAGCTTGAATCTGGGGCATTGAGTATGACCAATCCAGGTCCGCTGGGAACCTTTGTTG
GAGTCTATGACGGCCATGGCGGAACTGAAGCTTCACGGTTTGTCAACGACAATCTCTTCAGCAATCTCAAAAG
ATATGCATCTTTACACCAAGACATATCAGAAAATGTTATCAGGAAGGCTTTTGCACCAACAGAAGAAGGGTTT
CTCTCTCTTGTCCAGAAACAGCGGATTAATGAACCAAAGATTGCATCTGCTGGATCATGTTGTTTGGTAGGGAT
CATATGCAATGGACAACATATATTGCAAATGCAGGCGATTACAGAGTAGTGCTGGGAGAACTGAGAGAGC
CACCAGAGAAGTGATTGCCATTCAATTGTCCACAGAACACAACGCAAGCATAGAGTCTGTGAGAGATGAACTT
CGGATGGTTCATCCAGAAGATCCCAGATTGTGATTCTAAAACACAATGTTTGGCGTGTTAAAGGTCTCCTACA
GGTTTCAAG

>trans_s_4856 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

AGTATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCCCGTGGAACGCTCTTTAATGGAACCTT
AGCTTTAGCTGGTCGTGACCACTCCCAACAATTGGGATAGGTTGTTTAATTTCCGTAAATCAGGCGACCGGGC
GCCGGTAAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGATTAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTAT
TTGAAGTGGCTCATTTTCGTACCGGAGAAGCCCATGTATGAACAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACT
TTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTATAGACACCTTTCCTTATTTTGTGTCTGGAGTACTTCACTT
AATTTCTCCGAGTATTGGGTTTTGGCGGTATTATCATGCACTTCTGGGACCCGAGACCCTTGAAGAATCTT
TTCCATTCTTCGTTATGTTTGAAAGATAGAAAATAAAATGACTACCATTTTGGGTATTCACTTAATTTTGTAG
GTATAGGGGGAAAAGAGCTCTTGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAG
CCA

>trans_s_4857 NM_001185274|Oryza sativa Japonica Group Os01g0178300 (Os01g0178300) mRNA, complete cds

ATCAGAAATAGTAATGAAGCAGCTGGATACGCCATGAGCCATAGCTTTGCCTTTAAGGATATTAACTACCAA
AATAGAAAAAAGGCCGAATAGATGATCAGATCAATAGCTTAGATCGAAGTTGAATGAAAATCGCAGCAATG
GCGGTAGCAGCAGCACCTCAAGAACAGATGATGTCGTAACGATCATATCCAAAAGCGTAGGGAAGATAAA
GGCTGTCTCTATGCTTTTTTGTTTACGTTGTGTTGCTGTTGTTGCTGCTATGAACTTGCGAGTGTTGTGTGGAT
GGCGTATGTTGCTGCTGCTGATCTTAATGCATAGATATGGCCCTTCTAATGCAGCTCAGTTCAAATCAAACAA
AGTTCTTAATTTGAATTAGCCATCTATATGTTTTGTAAAATTTGTTAGATTATGTTTTTTTTTTGGTACAATTACT
TTCCAGATAGAAGATTCAACCTTCCATTTGTAAAGGAATACATGATGAACATTATTTTTCTAATGTAATACTTGT
ATTCAAATGGTTAAAAAATTATGTAAACTAGTTGTGTTTGTGGGTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4858 D78594|Cucumis sativus gene for CRG16, complete cds

CCGGGGGTTGCCAAACCTTCCATTCTTTCTCTCTCAATATTCTTTCTTTCTTACAAAACCTAATCTTTTTCT
CTTTTTTGAAGCAATGGCCGCGTCTCTAATGTTTCTTTTCATGGCTCTTGTTGCCCTCTTGTTGCCATCTTCTC
CATTGCGCTCGACAATCTGCAGAGTCTCCTGCTCCTGCTCCGGCTTCTCCGGCTAACTCTGTTGTTCCGTCCTT
GAGTCTTGCTTGTGTTGGTGCTTTCGTTGCTCTCCTCTTTGGATCTGCACTCAAGGCTTGAATGATACTTTGTAC
GCGTTTTGTGATTTTAGCAATGGATTTCGTTTACTGATGATGCTCGATTACATTATGGAGGGTTTTTATTGACTAT
ATTATTGAGTGTATAGGACATGGTTTTTCGACGATGTCAAGAATTAGGTTTTATTAGAGATTGGTGGTTTGTATT

CATGTATTATTATTTCATTGTGTGTTATCTCATTATTAATATTGTTTCCTTTATATATCCACATTATTTGAGTAA
ATAAATTATTTTCAGTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4859 Novel Gene

TGTAGCTCCCTTTCCGTCATGCTAATTTAAGAAGTCAGTAATTCAAAGTAAGATACATTACTTTCCTTAGGTTTC
TATTCCTTGTGTGAATCTTTTGAATATAGGCAATAACTACATGAGCATGGCCAGCAGATATCAACAATGTTAG
GAAAAGTTAGAGAAGCATATAGCAGGCAGAAGAATTATCCCCGGATGTATAGCGAAATTATACCTACTTTGA
GGAGTAGATCTATTACTACTATTATAGAGAGGATCTCCACAAGTATCATCTTCATCAATACATACTCCTAACAG
CAAATACATATAAACTCATACATTTAGGACAGATGATTTGGTTTATGAGAGTTAGGTTTCTTCTATGTTTTATT
TTGTGCCCAATTTGGGTGTGTGCTGGACCATGCTGACTAAAAGAACTACGGTCGGATTAACCTCGTTTTACAT
TGTTTCATCATCTACACATAAGTTCTGTTTGTCTTGGTATTATTCATAGTTAGAGGTAGGATTTAAATTTCTGT
GAAGCTCACAAGAGCCTCTTATGTACATAGTAGTAGGGTCCTAAGTTAACAGAAGAAGAAAAGATTGAGAA
AT

>trans_s_4860 FJ231521|Cucumis melo galactokinase mRNA, complete cds

TAATAACAGAGTTGTTGAATGCCGACTTGCTTCTATTATTCTAGGCATAAAGCTTGGGATGAAACCAGAAGAA
GCGATAAAAAAATGTGAAGACTTTATCTGATGTGGAAGGGCTGTGTCTTTCATTTGCTAAGGAGCGTAACTCT
TCAGATCCTGTGCTTGCTGTCAAGGAACTGTGCAAGGAGGAACCTATACAGCTGAAGAAATCGAACAAATC
ACTGTGGACAATCTGCCATCCGTTTTAGGCAACTCTCCTACTTCATTGGACGTTTTGAAAGCTGCCAAGCATTT
CAAGTTGTATCAGCGGGCATCCCACGTGTAAGCCAGACGAGTGTATGCTTTCAAGGATGCTGTTTCA
TCAAGTTTAAGTGAGGAAGACAAGCTTAAGAAGCTCGGTGATCTTATGAATGATAGCCACTACAGCTGTAGC
GTTCTTTATGAATGCAGCTGTCCCGAGTTGGAGGAACTTGTAAGATATGCCGGGACAACGACGCTCTCGGA
GCCAGGTTAACTGGAGCAGGATGGGGTGGCTGTGCAGTCGCTCTTGTAAGAAGCCATTGTTCCCCAGTTC
ATTCATAATCT

>trans_s_4861 DQ000202|Nicotiana benthamiana VIP2 mRNA, complete cds

TCTCAGCAGTTCTCTATTGGAAGATCTGCTGGATTAACTAGGGGGCACATATTCACACCGACCCCAGCAGC
AGCAACAACATTCTCCAGCTGTCAGTAACAGCTCGGTCTCCTTCCACCTGCAAATAATCAGGATCTCCTACATT
TACATGGATCAGATATGTTCCCATCTTCACATGCTGCATCCTATCACCAGCAGTCTAGTGGGCCTCCTGGTATT
GGGTTAAGACCTCTGAGCTCTCCTAGTTCAGCTTCTGGAATGAGTTATGACCAACTTATTAGCAATATCAGCA
GCATCCCAGTCAATCTCAGTTTCGATTGCAACATATGTCCGGTGTTAGCCAGTCGTTAGAGATCAAGGCATGA
AATCTATGCAGGCGACTCAATCTTCTCCTGATCCATTCCGGCTTACTTGGCTTGTTAAGTGTGATAAGGTTGAGC
GATCCTGATCTTGCATCCCTTGCACTTGAATCGATTTGACCACATTAGGATTAAATTTGAATTCAGCAGATAA
CCTTCACAAGACTTTTGGCTCCCCATGGTCTGATGACCCTGCCAGGGGCGATCCGGATTTCATTGTACCACAAT

>trans_s_4862 XM_002885889|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata VSR-2, mRNA

GAGAAAAACAGCTTGAGGGTGACTTCTCCTGAGAAAATCAGGGGGACTTATGATTCTGCCATTGGAAATTTTG
GGATTCTCAGTATGGAGGTAGCTTGGCAGGTGTGGTGGTTTATCCAAAGGAGAATCAGAAAGGTTGTAAAG
ACTTCAGTGATTTTCATATCTCGTTCCAGTCGAAGCCGGGGTCTCTCCTATATTCGTCATGGTCGATCGTGGA
GATTGTTTATTTGCTCTTAAGGTTTGAATGCCAAAAGGTAGGTGCTTCTGCAGTTCTTGTTGCAGACCACCT
TGACGAGCCATTAATCACTATGGACTCACCAGAGGAGGATGGTTCAACTGCAACATACGTAGAAAATATAACA
ATACCATCTGCACTTATAAGAAAGGGTTTCAGTGAACAATTAAGAAAGAAATCAATGCTGGGGAAATGGTC
AGCCTGAGTCTTGATTGGAGAGAAGCTGTTCCACATCCTGATGATCGTGTGGAATATGAGCTCTGGACTAATA

GTAATGATGAATGTGGGTTTAAATGTGACATGTTGATGGAGTTTTTGAAAGACTTCAAGGGTGCTGCTCAGAT
ACTTGAA

>trans_s_4863 AF049351|Nicotiana tabacum alpha-expansin precursor (Nt-EXPA2) mRNA,
complete cds

AAAAGGATGCTAGGGAGACACTGCGTCTTCTCATCAGCAGTTCAAGCCAGGGTAACTCTCAATTGATGAACGT
TCTCCCTGTTGTTCTAACGGATTCTGAAGCAAATCAAAGTTTATTTTTGACTGGAAGTCGTGGTCTCTACAGTA
GTGCTCGAGATATTGATGCAATAGCAAGCAGCATTGCTTCTCTAGGCATTGTGTCACTTTCAGGGCAATCCACA
AGTGAGCATGTAGGGAAAAAGATTCAATGTTGACGGTTTGAACGGGCATTTCGGATAACAGCAGTGAATCAGAA
AGTAGCTCTTGTGGATGATGTGCTTTCCCATCTCATTCCGACGAAAGGAAGTCTGGTTGATAGAAATTTTA
CGTTCATACATTCATTTCTTCTTTGTAGATCTTGGTCACATTTGTTGCCATCTGCTAATATGTAGATATGTTCCC
TTTTGTATTCCGAGTTATAGTTAGTTTAGTTCTTCACCAAAGAGGTTGGTGAGTTCGTTTTCGTTTTGTTCT
GTACGTCCCTAGTTTTATATTGCTTAGTGTATGGTTGTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4864 DQ307078|Stachyurus cordatulus NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene,
partial cds; chloroplast

CAATGGGGGGCCCCTCCCGAGGGGGCGGGGCCCTATTTCCGTTTTGGATATTTAAATTTGTTATTAAGTATC
CTTTTGAAGAGATAAGAGCTGGTGAATCAGAAAAATTAATTAGGAATTTAATATACTTTTTTATGGAATATA
CATATCAATATTCATGGATCATACCGTTCATCTCACTTCCAATTCCTATCTTAATAGGAGTGGGCCTTCTACTTTT
TCCGACGGCAACCAAAAACCTTCGACGTATGTGGTCTTTCCGAGTATTTTATTGTTAAGTATAGTTATGATTTT
TGCAGTTTATCTGTCTATTGATCAAATAAATACTAGTTATATCTATCAATATGTATGGTCTTGGACTATCAATAA
TGATTTTTCTTAGAGTTGGGCTACTTGATCGATCCACTTACTTGTATTATGGCAATATTAATCACGACTGTTGG
AATTATGGTCTTATTTATAGTGACAATTATATGTCTCATGATCAAGGATATTTGAGATTTTTTTCGTATATGAG
TTTGTTCAATACGTCAATGTTGGGATTAGTTACTAGTTCGATAAACGCTTGGCGGGCGCCCCCCCCAA

>trans_s_4865 NM_001066339|Oryza sativa Japonica Group Os07g0520800 (Os07g0520800)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAATTTCCATCGC
TTTTAAAGATTAAACACCATTTTAAAGTTAACGAGAACATCAAACACCTAACATCTATAACCAAGATTTTAC
ATCTCGAAGCCATTCCCTAATTGATAAAGACAGGCTTATATTTAACACAATATAATTAACATCAGAAGGCAGTG
AAAATACAAATCTTAAACAACCTCTTTCTAGAACCTATCAAACAGAGCAACTCCAACCAAAATCATGCCTTTT
TAGCAGAAAATTTGGGAATAAAATCCTTAATTTCTCGTTAAGTGCTCTATCAATGGCAGTTTCGACCATCTACA
TCTTTCACATCATACTAGCCCCAGCTCTCAATAGCTCCTCAAGTTTTGGTTGTCTCCTTCTGAGGCAGCCAGC
ATCAACAAAATGTCCACTGGGTGAATGTCTTGGCTCAAAGAGCTTCCATTTGTCATATGTTCTTCTACAGC
CAGCATTCCCATGTAGTTAAATACTGCTCAACATCATCTCTGTTGAAATCATCTCGGGATT

>trans_s_4866 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AAAGAGAGCGAAAACCGTATCGCGTAAAAACGCGGGAGCGGGCGTGCTGGGGCTATTAGCTCAGTGGTAG
AGCGCGCCCCTGATAATTGCGTCGTTGTGCCTGGGCTGTGAGGGCTCTCAGCCACATGGATAGTTCAATGTGC
TCATCAGCGCCTGACCCTGAGATGTGGATCATCCAAGGCACATTAGCATGGCGTACTTCTCCTGTTTGAACCG
GGGTTTGAAACCAACTTCTCCTCAGGAGGATAGATGGGGCGATTCAAGTGAGATCCAATGTAGATCCAACCT
TCTATTCACTCGTGGGATCCGGGCGGTCCGGGGGGGACCACCTCGGCTCCTCTCTCTCGAGAATCCATACAT

CCCTTATCAGTATATGGACAGCTATCTCTCGAGCACAGGTTTAGGTTTCGGCCTCAATGGGAAAATAAAACGGA
GCACCTAACAACGTATCTTCACAGACCAAGAACTACGAGATCGCCCCCTTCATTCTGGGGTGACGGAGGGATC
GTACCATTGAGCCTTTTTTCTGCAGAAAAAAATTCTTGAGTTCTCCCTACATGGAGTGCTCCGCCCCCTCCGGC
TTCCCC

>trans_s_4867 Novel Gene

TTATACAGGTGGTTATGCCGGTGGACAAGCTCGACAAGCCCAACAACAGTAATTTGATGATCTAAAAGTGAAC
TGGATTTGCCCATGTTCTGTGTCTCCCTGTTTGTATGAGAATTGAGATCGATGTTTTCCAGTTGCTTATTAA
AAAAAAGTTTCTTGTTGCTGACTGAAGCAGTGGCCCAATTTGGAACACAATGAGCCTGGAGGGATGCCCGG
AGTTGTAAAAGTGGAGTCAAGAGAGTCCACTCATGGCTGAACACAGGCTTCATAATGAAAGACCGTGTTGGG
GATGCGTGTGTTGAGCATTATGGAACCTCGAGGACCTTTAATCGGTTGAAAAATGGATTTACCCCGGAACCTGA
ATATGTTCTCCTGCAAGGCCCTGCCAGCACTATCAAGTATTTCAAGTCTCTGGCATTGCAAGTCATGAGTTTAT
AGTAAATCTTCTCAAGGTAGTCGAATCCATACCTTCAAGATTTGGTTATGTAGGATACTTGGTATTAATTATGA
GTAGGTATTGATTTGAGGTTCTTTGTTGAAACAGATTCCAATTAAGTTTTAGAGTGAATAAAGTAAACTTCAT
AGC

>trans_s_4868 HM346853|Vitis hybrid cultivar isolate g2p_01 pathogenesis-related protein 1 (PR-1)
gene, complete cds

ACCACCAAATACAAAAGAATATTCTACTCCAAAACCCCCCAGAAAATGGTTTCTCCACCATTATTATTCTGTC
TACCATTTGCTTGGTAAGTTTCTCCTAGCTACTACCATCTCCAATGCCCAAACTCCCCCAAGATTTTGTCAA
TACACACAACGACATCCGACCAGCGGTAGGCGTCAGCCCAGTCTCCTGGGACGACACTCTAGCTACCTATGCT
CAGAGTTATGCTGATAGTAAGATCAATACTTGTGACATGGAGAACTCCAATGGCCCCCTACGGTGAAAACCTAG
CTGAGGGGTATGACGAGATGACAGGGGTGGAGGCGGTCAAGTCTGGGCAACCGAGAAAAAGTTCTACAAC
CACCATTTGAATCGATGCGTCGGGGACGAGTGTGGGCACTATACACAAATAGTGTGGAGGCACACTACAAAC
ATAGGGTGTGGTAGAGTGAAGTGTGAGAACAAATTGGGTCTTTGTGATCTGCAACTATAATCCTCCTGGCAACT
ATATTGGCCAACATCCTTACTGATAATATATTATAGAAGTTTATACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_4869 Z21794|M.domestica ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase activase
mRNA

AACCTTGAACCTCTCGAAACTTCATTCTTCTACTACAAAATATCCTCTTCCCCCTTTCATTTCTTCAACTTCTTC
TATCAAACAGTTAGTGAAACACACTCCAAATTCCTCTCTAAACCATGGCCACCGCCGGAGCCGTCAACAGAAT
TCCGCTGAGTTTAAATGGTGCCATTGCTGGGCCTTCAGTTCAAAGCTCTACTTTCTTAGGCAGCAACTTGAAGA
AAGCCAACCTCAGATTTCCCAATTCAAAGGTCTCCTCAGGAAGTAGCTTCAAGGTAGTTGCTGTTGCAGAGGA
GATTGATGAAAAGAAACAACTAACAAGGATAAATGGAAGGGGCTTGCTTTTGATATATCTGATGATCAACA
AGACATTACCAGAGGAAAAGGAATGGTTGACTCACTTTCAAGCTCCTACTGGAGCAGGAACCTCATGATCCT
GTTCTTAGTTCTTATGAATATTTAAGTGCTGGACTTCGTCAGTACAATTTAGACAACGATGTGGAGGGTTTTTA
CATTGCTCCTGCTTTTATGGACAACTAGTGGTTCATATCACTAAGAACTTCATGAACTTCCCAACATCAA

>trans_s_4870 FN432043|Nicotiana benthamiana mRNA for non-cell-autonomous protein pathway
(ncapp gene)

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTGGGAGAAAAGAAATTGGTTGAAGTTTGAACAAATAGAGAGCTC
AAGAATGACTCTTCGTTATTTCCAACCTCCAACCATTCATTCCATTGAAATGATACATAATACAGAGCTCTCAA
AGCTAGAAGAGAAATCTTATTTTCAAAGCTACATCATTACAGAAGAAGTTAAAAAAGGACTTATTTGTCGGGT

AAAATAGGATGAACAGTTCACCTAGTTGAGAACTTGAATAGCATAATGTGTTTGTAAGGCTTCTTAGGAGTTA
CAATGGTTGAAGGAAAATTGTGGTGATTCACTGCATCAGGAAATCCTTGAGTCTCCAAACAAAGCGCAGCATG
AGCCTGGTACACGAATCCACCCTTCCCTTTACATCCTTTATATAGTTTCCGGTATACAACTGCGCACCGGGAA
CGTTTGTTGATAGCTCCAACATTTCGTCGCGACTTCTTGTCTGTCACAACCTGCTGCTTCTTCAGTTTATGTTCCCT
GGTGCCATCGTCCAGAGCATAGTTTATGTCATAGCCTTTTGGTAGCTTGTTATTCTGCTTCCAACCA

>trans_s_4871 AB112635|Humulus japonicus chloroplast DNA, downstream region of trnS,
Japanese wild

AGATACCGAACGGCCACGTCAGTTATATGTCTCTCCTAGAAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATTTTGTCTAGGAT
TCTTCCTATTCGTAGGTCATTTATGGCATGCAGGAAGGGCTCGTGCAGCTGCCGCAGGATTTGAAAAAGGAAT
TGATCGTGATTTTGAACCTGTTCTGTTTCATGACTCCTCTTAAGTACAGGCGATCTAATGCTTGAAGTCAAA
ATCAATTGGATTCCACCATACATATCAGGTTGGACAGATCGGGTTATATTTTAAAAGTCTCTTTTCTTTCT
TCATTTCTATCTAATCTTTTTTCTGAAAACCGAGCCGAATCTTATGAGATAAATTATGATATTCATCAAGTAAA
ATTATATGTATCATACGTAATCCATGATAATGTTTGCGAAAACGTAAAAAATCAAAGTATCTTGGCCCTATCGC
ATGAGTTAATCTGAAAAGTAGATTGATTATCAAAATTCTGATAAATTATTGACTCATCTGGTATCTAAATATATA
ATTCATTTACAAATTTACTCGATCGAATCGGGCGCACTCCGGGGGGGGGCCCCCTCTCAAAAAGTTTT

>trans_s_4872 NM_001050403|Oryza sativa Japonica Group Os01g0679700 (Os01g0679700)
mRNA, complete cds

GAAGATTTCTAGGGTTTCTGCTCTCTTGCTAGTTGCGCGAAATGACGAAGAGAACAAAGAAGGCTGGCATC
GTTGGCAAGTATGGCACTCGTTATGGTGCTAGTTTGAGGAAGCAAATTAAGAAGATGGAAGTAAGTCAGCAC
AGCAAGTACTTCTGTGAATTTTGTGGAAAGTACGCCGTAAAGAGAAAGGCTGTTGGAATATGGGGTTGCAAA
GATTGTGGCAAAGTGAAAGCAGGAGGCGCTTACACGTTGAATACCGCTAGTGCCGTCAGTGTGAGGAGTACT
ATTAGAAGGTTGAGGGAGCAGACAGAGAGCTAAATTAAGTCCAGATTTTGTGTTGAGGTTACGTGGAGTA
ATTTTGTGAGGTTCTTGAGTCAGTCTTTGCCGAATTTATCTTCTCGAACGGAAGTTGAGAAATTGATCATTTT
GTTTTGACTATTAATGAATGTGGGATATTTATTTTAGAATTTTTATTTTTTAGTTTCAGTACAAGATAGTAATGGC
TCTTCTAAGTTTCAGAATTTAAATTTATATCTATAATAATATAGAGTTTTTAAAAGACTAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_4873 Z46960|G.hirsutum gene for acetohydroxyacid synthase (2381 bp)

CAGTTTCATCATGAATGTCCAAGAACTAACAACAATCAGCGTCTAGAACTTCCAGTGAAGATCCTGCTCCTGA
ACAACCAGCATCTGGGCATGGTTGTGCAGTGGGAGGATCGGTTCTACAAAGCCAACAGAGCTCACACTTACCT
GGGAAATCCATCGAACGAATCTGAGATATTCCCCAACATGTTGAAAGTTTGCAGAGGCGTGTGGGATCCCTGCT
GCACGCGTGACAAAGAGGGCCGAGTTAAGAGCAGCAATGAAGAAGATGCTGGAGACAGAAGGACCTTACTT
GTTGGATGTGATTGTACCACATCAAGAACATGTGCTGCCTATGATTCTAGTGGTGGTCTTCAAAGATGTG
ATCACAGAAGGAGATGGAAGATGCGTATACTAATATGAATAATATAATCCATTTTCACTTCACCATTTTAAAGTT
CTCCCTATGTACATTTTTTCCCTTCCATCTCCTTTAGTTTGTGTTGTTAGTTTCTGGCGCTTTATCATAAACAATGT
TGTAAGAGTTCCGTCTCTACTTAAATTATGTTTTGTTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4874 EU328283|Zea mays RFLP probe p-csu613 mRNA sequence

ATTTTCTTTTGAAGATAACTCGGCGATTTTTTCCCTTCAATTCGCTCACGTCAATCGCTCGTCTATTTAAAAGA
GCTCCTTACTCGCGTTCTTCTCAGTTAGCATTTTCGCAACTGTAATCCAGCTTCAACCGTAAGCAACAAAGAAG
ATTTGCCATGGGTTTGAAGGAGGACTTTGAGGAGTATGCTGAGAAAGCAAAGACCTTGCCAGAGAACACAAG
CAATGAAAACAACTCATTCTATGGACTATACAAGCAGGCCACTGTTGGACCCGTGACCACTTCCCGACCTG

GAATGTTCAACCAGAAGGAAAGAGCCAAATGGGATGCCTGGAAGGCTGTTGAAGCAAAATCCAAGGAAGAT
GCGATGAATGACTACATCACCAAGGTGAAACAATTGCAAGAGGCAGCTGCTGCTAGCTGATGAGTTTCTTGAT
TATCTGTATGGACAATGATGTTGAAATAATCTTTGTTTTAAGTTCAGTACTCTAATCGTATTTATCTAAGTTGTG
TAACAATGAACTATGTGCAAGTATTATCACTGTCATATTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4875 NM_001064667|Oryza sativa Japonica Group Os06g0633800 (Os06g0633800)
mRNA, complete cds

GATAAACCCAGAGTTATAAAATTTTTATTAGCTTCAAAATATCAATAAGATATAGTTACGATGAGTAGTACAACC
GACTCTGCTATCGACACATTTACATTAGAGACAATGGGAAGGTTTGCAATTTGCAAATACAAAAACGCCACCTG
GCCAATTGCATACGTATTTTAATGTGATTGAGCATAAAGTTTCTACTACAGATCAAGGAAGAAAAGTCAGTCT
AACCTATGAAGAGCAAGTAAGAACACCGACTCAACTCACCTAGAAAAACGTAAAGCTGAAGTGCAAGATAC
AACATCTACCAAGACATGGAACTCTTAAGCTCAATATGAAAACTCTTGCCTACTAACCATGGCATCATGGTC
TACATCATCTAAGTCTTATGAGGGGAATAAAAGTAGAAAAATGTTTGAATAAAATCAAGGAGGACAATATACAC
TCTTGGTCTATATTGAGTGTGTCGGTTTTGTCCTTGAGTTCTTAAATATGTTTAAATTGCTCTATTGTATGTTT
GACCCTTGATAAATAAATTTATTGATGATGTTGCATTTCAATTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4876 XM_002877956|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATVPS33, mRNA

CGTCTTGTCACAAAGCTGTAAGATCTGGATGGCGTCCTATTGAAGAAATTTGAAGTTATTACCTGGGCCTCA
TTCAGAAACAAAGAGAGGTAGATTCCTTAGCAGTTCATCCTATGATTCGTTGCAAGGGGCTTCAGCCAGTAAT
GACAAAGTGACAGATGGAAGACGCACAGTTGTACTCGTTGTTTTGTTGGAGGTGTAACATTTGCCGAGATTT
CTGCTCTTCGATTTCTGAGTGGTCAGGAAGGAATGGCTTACGAGTTGATAGTTGGTACCACAAAGATTGTTAG
TGGCAATTCTTGACTGAAACAATTGTGGAGAAGTTAGGCTAATTCTAATTCAGTATTGCGAGTCTAACCGTTT
ATCGTCTTCACATCGAACCTTTTTCGTTCACAAAAGAGTTTTTTCTGTTTGCTGTCCTTTTCGTTTTGCTCCCTT
TGAATTATCATTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTATCAAGATTGGTTGTTCTGTGACAATGATGAGTGTGGTTTCTA
CAAGTTCTTGCAAGGCTGTATACTCTCGCATATTTCCCATCAGTGTAAGAATCATCTATTTACTATG

>trans_s_4877 AB041517|Nicotiana tabacum NtEIG-A1 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAAATTAAAAATTATTCATGTATTTATTTATTTATATAAGTATGTATA
GAAATAATGAAATGACAAAGTAGAAATCCAAGAACATGAGAACCCCACTCAAATAATAACAACAGAAAACGA
AAAGGAAAAAGAAAACATGATTTTAACAAAAACAAAAAGAAACGTATTAATTAATTAATTAATTAGAAGAA
GCTCAGAACAAAGGCCAAAGACTGTGGCGGAGAGAGCGGCGGCGATGGTGTGCCAGAGGAGTTCCGGTAGTC
CGCGGCCGGAACCGCCAGGGGTTGGTCCGAGGTTGGAGGGGTTGAAATAGATGTAACAGGACCGGTGGAT
CTGGAGGCGACTACATTGATGGCTAATTTTTGGCCGAGTTCACAATCTTGATTCTCACCCTGATGTAGTAATG
TTCGCCGGGAGTAGTGAGAACGACTGTTGCTGGGCCTGATTCAATGGTGTCTCCGATCTCGTTGTCATCGCTA
CATATGTCAAAGGATAGTTTCGGTACTCTCTCAACGTCGTGTACATCGGTTCGGAAGTTGAACACTGTTTATTA
TA

>trans_s_4878 AY062836|Arabidopsis thaliana Unknown protein (MTH12.17) mRNA, complete cds

AAGAAATCCCCTTTTTTCACTTGCAGAAAGAGACGAACAAACGCAAAACAGTCGAAGGAAGATGAGGAAATT
CGATCCATGGCCGGTGTTTTTCAGGCGAGAATGGAAGAGGAACTGGCCGTTCCCTTGTTGGTTTCGCCATAACT
GGCGCCGCAATTACCAAGATGACTGCCGATTTTCTGAGGAAGAGGTGAAGAATTCTCCCTTCGTGCAGAGG
CACAATCGGTGAATCCTTTAATGGGGAGATTAGTGGCATTGGAAAATGTGAGATGTTTTTCATTTGTGCAAAA
TAACAGATGCTGCCGTTAGTTTACCAGCCATTTGAATCAAGCTTTATTGGTACTTCTCAGTATGTATCAATACTT
GGATGGATTTTTTGTGATGTTGTTTACTTCTTATATATGAACATGAATCTTTTTTCGTAGCATCTGGGTTGCAA

GCTTTTCCCTTCTTTAATTTGGAATGCTAGAAACCTGTTTCATGTACTGATTAGTACTTGTCGTATAAAAGCTTAC
ATGAATTTCCAGATTGGGTAACTCTCATCTGGACTGGCTGAGATCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4879 NM_001056900|Oryza sativa Japonica Group Os03g0415500 (Os03g0415500)
mRNA, complete cds

AGATTGTTTCAGTTCTATGCTTGATGAATCTCCCATCAAATCCATCAACTTAGGCTGGAATACCCACAAACATTCC
TTGACTACTGGATCGCCAGTGTGGCCAATACCACCTCTTCTCCTTCCACTTCATGCAGCCTTGGAACTTTTAAA
TCAAATTTTCTTCTAATAGCACCCACCTTGTGAAGTCAATGGTCGTCCTGACCCAGTTCAACACATGTCCATT
AACCACCCAAACCCAAATGCAACGAAAGCTTCCAACCTCAGAAAGTAAAGATAGAAACCTCCAACAAGTTAGATG
CAGCTCAAGAAACAGAAGAGAAACAAAATTGTTTAAACCCAAGTCTGCGGTTTGAAGATGGGGTGATGACAG
AGTTGGGCTTCAGACTTGGAGAGACAACCCAGAATGGTCAAAATATGAATTAATTAGGAAAAGTACCCTTTGC
AATGACATTAATTGTCACAAAAAGGATGATTTGGGTACTTGCATGGATTTGGATGGTTGGTTGGCATGCACCC
AAATTGTATAATCACTGTTTTTTTAGTTATCTGTTAATAAAAATATATAGCTACTAAAGTAGTTTAATCAT

>trans_s_4880 DQ172829|Medicago sativa cystatin mRNA, complete cds

GAAATCCATCAATCAATCTATCCATCAATCTCTCTGATTTTGAAGTGAAGAGATCGTAATGGCGACTGTTGG
AGGTATTAAGGATGTTCTTCAAACGAGAACAGCATCGAGATGGATGAACTTGCTCGTTTTGCTGTTGCCGAA
CACAACAAGAAAGAGAATTCATTCTGGAATTCAGCAAGGTTGTGAAGGTGAAGCAGCAGGTGGTCGCTGGC
ACAGTTTATTACATAACTGTTGAGGTAAGTGAAGGAGGCCAGAAGAAGGTTTATGAAGCCAAGATCTGGGTC
AAGCACTGGGAGAATTTAAGCAGCTTCAAGAGTTCAAGCTTGTTGATGCCTCCGTGGGCTCCTCTGCTTAGTT
TGCTAGGGTCCTAAAATCCATGATGATGCGTGGAATAATACGAATGGAGCAGAAATCCTTTCTTTGATGTGT
AGTGCTTTTGATTTAATAAATTCTGTAAGCTTATGGAGTATGTATGGATATTTATTATCAAATCTCAATAGTTG
TTGTGAATTATGTGGCAATTGCATAATATATATGTATTTTCAGGAAGAAATATCATATACTTACCTTAACTGT

>trans_s_4881 FJ969386|Arachis hypogaea cultivar Luhua-14 acyl carrier protein 5-3 (ACP5-3)
mRNA, complete cds

GATTGCTCAGCAATAATAATGCCTTCCACCTTCGTGTCTTGTGCGGCAAAACCAGAGACAGTTGACAAAGT
GTGTTCAATTGTGAGGAAACAATTGGCCTTGCTGAAACCTCAGAGCTCACCCCGAATCTAAGTTCGCGGCT
CTTGGTGCTGATTCCCTCGACACAGTGGAGATTATTATGACACTAGAGGAAGAATTTAGCATCAATATCGAAG
AGGATAACGCTCAGAACATAACCACAGTGCAAGAAGCTGCCGATTTGATTGAAGACCTTGTTGTTAAACAGCA
ATCTTAAAAGACTACATGTAGCTTTGCTTTTAGTATTTGTATTATTCCAAGAGGCAGATGACAAGAGTTTGGTT
GGGGATGGGTTGAGCAGGTAGGATTAGAATGTTCTTTTTTTCCTCAAATGATTTTTTTAAGCAAATTAATGT
GCTTTTCTACTCCATCAACTTGTGAGCTACAAAATTTATAATGTAATATGAATTGTAGTGTTGTGTTGTTTTCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_4882 EF530141|Actinidia deliciosa cysteine protease Cp1 mRNA, complete cds

AACACGTCTGTGCTTTTAACAACTTTGGCTGCAATGGTGGACTGCCTTCCCAAGCTTTTGAGTACATTAAGTAC
AATGGTGGCCTTGACACTGAAGCAGCATATCCTTACACTGGAAAAGACGGCAAATGCAAATTCGTCTCTGAGA
ATGTTGGAGTACAAGTTATTGATTCTGTGAACATCACTCTTGGCGCTGAAGATGAATTGAAACATGCAGTTGC
TTTTGTTGACCTGTAAGCGTAGCATTTGAGGTGGTTAGCGGTTTTCGCTTGATTCAAAGGAGTTTACACCA
GTAACCTCATGCGGCAGTACCCCTATGGATGTAAACACGCTGTGCTTGAGTTGGTTATGGTGTGGAAGATGG
TATCCCATACTGGCTTATAAAGAATTCATGGGGAGAAAACCTGGGGTGACGATGGCTACTTCACTCGTTCTCGT

>trans_s_4883 U49978|Pisum sativum imidazoglycerol-phosphate dehydratase (PSHIS3) mRNA, complete cds

>trans_s_4884 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds,
haplotype: S4

>trans_s_4885 NM_001053994|Oryza sativa Japonica Group Os02g0621300 (Os02g0621300)
mRNA, complete cds

>trans_s_4886 AY057700|Arabidopsis thaliana At2g47330/T8I13.17 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGTAGGCCAAAAATTTATAATTAAAGAGGGCGGTAAAGATTATACC
AGGCAATTTCTACAACCTCATAAGCTAAAATCATACACTGGTAAAACAAATTTAAACAAAATAAGGGGGTTTA
CACTATTGAGTCTAATCATACCAGATTTTTCTCAATACTATTTGAATTTGAGTTTATATCTTTCCTTCAATTCTAG
GCGTCATCTGTCCCAACCAGAGGGTCTCTTCTTTCTCGAGGCCTGTCGCTAGAACTTCTGTGTTCTTTGGCT
TGAATATTCTACAGGATTTGGCATGTACGAGTTCCTCTCGACACAGGAGGCGCTGGGCTGTTTGCACCATCG
CCGATCGAACCACCAGATACAAAGCCTGATAATGTTGGCCTTTTGTTGCTGGCATATTATAGCTGTTACTTGA

ACCCTGACTTGGAGGGGCCGATGAAGCAGCAACGAAATTGCTCTTGAAGTGTGCCATCATTCTGTCTCAAT
GAATTTACAGCTGCAGATCGACTTTGAACATTGGTTGTTGAAGGAGTACTACCGCTGCCTTCTG

>trans_s_4887 NM_001186090|Oryza sativa Japonica Group Os02g0554800 (Os02g0554800)
mRNA, complete cds

GTCGATCTCGATTCCGATGACGAAATCGAGTCGTGTTCTGCACCACAGAGTACAAGGCCATTTTTCAATGACG
AAGCAACTTCGTCAAGTTCCTTAGGCCACTGAAGCAAGCAAGAGTTGCAGGACCGATCCAATCAACCACATC
CACTCCAGATGATGAAGCTTGTAAGCCGAGTTAAATCCACGGCTGTCGTTAGATCTATCCAGAGACTCCAG
AATCGTCTTCCACAGACATTAACGATGCTTCCAAAATGATCTTTGGGATACGCAAAATGAGCAGAGATCAGA
ATCGTTGATTCTTACTAACCACACAAATGGAAGGTAGCTAGGGTTCTTGATTATTTTTCTTTTTCTTTTTGG
GGTTTAATTTTTCTCACTAATTGTCTGTCATGATCAATTAATTCAAGGATTATACCTATTATCTCAACCGTGACA
ACCTAGAATTTCCCCCTCTATTTCCATTAGATCATCTTGTCATCATTTGTGAAGCCTGTCATGTGTAGCCAGA
TATTAATTTACATTCTATTAACAGATTCTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4888 AF111812|Brassica napus actin mRNA, complete cds

AGGATCCATCCTAGCATCCCTCAGTACCTTCCAACAGATGTGGATAACAAAGGCTGAATACGACGAGTCGGGT
CCAGCTGTAGTTCACAAAATGCTTCTAAGAAGAGTTGATGCTAAAATCAACAAGCTTCTTCTACTCCCATCTTG
TGTCATATGTCAAGTAAAGTTTGTTAGTTTTTATTTGAAGAATTGTTTATATTTTCAAAGGAAGATCGGTA
AGCTGGATTCTTGAAGTTGTAAGTTGAAATGCGTTTTATTCCTCCAAAAGAAAACAAAAATAATATATATAGA
GTTTTCTAGAGGTAGGTTTTTTTTTGATGCCAACTAGTATTTGGAATAGTTGGGCTAAGTATGGACAAGAA
CAAGACTTTTGTGTGAGTGATATTTGTTGGTTTGAGGTCATGAGTTGTATGCATTTACACACATTGTAATA
GGACTTCTTGATGGTATTAGCTGTGAGTTGTATCATTTTTTTGTTAAAGAGTGTTTTGAATCTTTGAATTT
AATTGTTATGAGTTATATAAATGTTAATGTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4889 NM_128597|Arabidopsis thaliana chloroplast thylakoidal processing peptidase
(AT2G30440) mRNA, complete cds

AACAAGATATGGCGTTAATCCTTCTCTAGGCTGTTCTGATTCTTCCTTCTCGTCTCTGCAACCAACCTGCGTCA
AATCCTAATCCACCTACTCAAATTTGTAATCATGGCTATTCGCGTACTCTCTCCTACTCTGGTCATGTGCCCA
AAACCTGGCCTCTCCACCGGCCTTCGGGCGCGTAATTGCAGAGTCTTTCAGGGGTTTCGGTTCCGATCTTGTA
TTTTGACTCGACCCATGATCCGAAGCTCAAATCTTCTGGAAGCGCGCAATTATCGGTCCGATAGCCGGCG
GTTCAAGCCGGGTGGCTCTGTTGAGAAGCCAATCTATGTACAGTACTCTCGCCGAGAAAGGGTCGGGGA
AAGCTCTAAGAATCCGATGATGTTGGGTTTGATGTCGATGTTGAAATCGATGGGTGATTCTTCTATGATCAGT
ACGGGGAATTTGGGGTTTCTCGTTTAAAGCCACTTCGATTATACCCTTTTACAAGGATCGAAGTGGCTTCC
GGGTTATGATGTACGATCTGTGAGCGACGATGTGGATAAAGGCGGAACAACTGTTTGATATGATTATTA

>trans_s_4890 BT025595|Arabidopsis thaliana At5g17610 mRNA, complete cds

GAGCCGAGGGAATGTGAATTTGATCAACAACAATGGAAGTCAACAATTCCTCGAAAAATTCAAAGCTTCTCAA
CACACTCAAACCCTTGATCCTTCTAGGGTTTATCTTTTCATTGCTCACTACCCATACAGTTATCGCCAAATCTCGC
CGTCCAGTCACTGATGCTGAAACCCGGCAAAAGAAGCAGGAGTGTTACGCCGATATCGAGAGTGGATTGTGG
GGTTGGCAATGCAGATCTTCAACTACCGAAAAGGAAAATTGTGCCCTGCGATGTCTTCTCCTACTTGTTACGA
TCTAGTTTATGGTAGTGATCCGCTCGAGGAAGGAGAAAAGGACCTTGCTAGGAGTCAAGAGTATAAGTATTG
TATATATAAGTTGTGATGGGGGAGAGTCTGGAGGGTATTAAGGGATCCTTTGACTACTGATATTTGTGAAGA
TTGTCTGTGCTATTTAACTGTCTGATGTTCCATTATGCCCTGTTCTTCTGACTTGCTTTTAACGTTTGGCTCAA
TTATAAGGTACAATTCCATAATCCTCCGTTCTGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4891 HM122526|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL10) mRNA, complete cds

AAAAGCTAAGTTGAAATTTTTAAAAAATAAAAAAATGAAGAAGTTGTGCGAGCTGTGTGGGTGTGTGGC
TACAGTGATGTGCGAAGCAGACGCAGCCATGTTATGTTGGGGCTGCGATTCTGAAGGTCCATGGGGCTAATTT
TCTAGTGGGGAAGCATTTGAGGGTTTTGCTGTGCCATGATTGTCAAGCCCCTACCCCTTGAATGGTTCTGGT
CCTAACCTTGTGGCTACGGTTGCCTTTTCCACAATTGTGTTCACAAAAAAAGGCTGAATAATGGGAGACGGT
GTGAGAAAAGCTTGTGGGAGCTCTAATGGCGGAAGTGCACCTATTGGTTGTGATGATGACGACGACGACGACG
ACGACGATGATGAGATTGAAAATCAAGTGGTTCCTTGGTTATCTTTGTCCCCTAGCTGATTGGGAATTACTTTT
TGTTTATGTCTAATGATGTAAAATGTAAATTTATCCTTTAAATTATGAGTAGGAATTTCATTTTTTGTAAGTACC
ATTCGATAAACGTAATGTAGAAAGTTTGAACCTTACATCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4892 NM_001056590|Oryza sativa Japonica Group Os03g0338400 (Os03g0338400)
mRNA, complete cds

CCTGCGGTGGCGCGTGAAGGAGACACACGGCGGAGTTTGAATAATAATAAATTTCTCTCCGGTGGGGGCC
GTGAATAATGGGTTCTAGAGAGCGAAAGAAAGCAGCAGCAGCAGCTAATTCTTCTCATCACAACCTCTAAAGA
ATTTCTGTCATCCACAAGCTCTAGTGCTGTGGTGAATGTGGAGAGTGTAGAAAGGGGTTTTCTAATAAATGTA
TTTTTGAAAGAAATTCACCTGGATTGCTAGTTCGGATTCTAGAAGCCTTTGAGAAATTAGGACTTGGAGTCCT
CGATGCAGACATATCTTGTTCGATTGTTTCCAACCTCCAAGCTGTTGGAGAAGAGAATGAAGGGAGAAAAATC
ATAAAGGCCCAAGTGGTGA AAAATGCAGTAAACAAGCAATCAAGGAATGGAGTGAAAGTGATGGGCAGGC
ATGAATTATATATATAAATATAGATATATATAATTACAATTATATTTATTTTCTTTTTTACCAAACAGAAATTACA
TCACTTCTGGTGTATAAGGTAACCAAAATTTCAACTCTCTTTCAAGTGTAGAAATTGAAATATCTCCAACC

>trans_s_4893 GU137307|Solanum tuberosum cultivar Iwa snakin-1 (SN1) mRNA, SN1-a1 allele,
complete cds

CTCATCTGAAATTCAAAACACAATGAGAACTCAGCTTTTGCTTCTTGGTTTGTCTTCTGTTTCCTTCTCTAAGT
GCTTCTTTTCATGGACACTGCCATGGCTGATTTCAGACCGGTGCACGAGACCGTGTAGGATGAGGTGTTCTGAAA
GCGAAGCTGAAGCGTCGGTGCATGAAGTATTGTAGAATATGTTGCAGCAAATGTAAATGTGTGCCAGGGAGT
TATGGGAAGCACCATTGCCCTTGCTATAGCCATGTTACACCATTAGAGGCAGGGCCAAATGCCCTTAACTTT
TAAGAGACCGTTTGCAATTTATTGTCTGTCCCTATTATTATGAAATCAAATAATATAAGCCAACCTAAATAGTA
CTATAGAAAGGAGATGAGACCAAAAATAATTTTGTGTCTGATATGAATATTAATGCTTCAAAGTTTGAATTGT
GAGATTTGGTGTGCTTTTTTTTTTTTTTTTAAATAATAATAAACAATGTGTATTTATGATTTGCCTTAATTA
TTTTATTTCAATTATATTCTAATTTATGTACCTAAAGATTCAGTGGTTGATGAATGAAATTCAATT

>trans_s_4894 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

CATTCATGCAAATAATATCCAAATACCAAATTTTCCCCCTATATACCCTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGG
AAGATCAAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCAATAATTCCGAATTTAACCTTTTAAAAAG
AGCACGTACACATGAAAACACAAATGCTCGGTTTCAAAATTGTGTTCTCACCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCT
CCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCAGATCGCTTAGCCCCGTTCTCTCCCTGAAAAGGAGG
TGATCCAGCCGCAACTCCAGTACGGCTACCTTGTTACGACTTCACTCCAGTCACTAGCCCTGCCTTCGGCATCC
CCCTCCTTGCGGTTAAGGTAACGACTTCGGGCATGGCCAGCTCCCATAGTGTGACGGGCGGTGTGTACAAGG
CCCGGGAACGAATTCACCGCCGTATGGCTGACCGGCGATTACTAGCGATTCCGGCTCTGCATGAATCTCAAGC
AGCTCGTGATCCGAAGTGAAGACGGGTTTTTGGAGCCGAGCTCACCTCGCGGGAGAACGACCTT

>trans_s_4895 Novel Gene

>trans_s_4896 AF245292|Spinacia oleracea plastid-specific ribosomal protein 6 precursor (Psrp-6)
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

>trans_s_4897 AY527168|Citrullus lanatus var. lanatus voucher PI494529_1 NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

>trans_s_4898 FJ799360|Vitis vinifera pheide a oxygenase mRNA, complete cds; chloroplast

>trans_s_4899 FJ459813|Momordica charantia 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase (ACO1)
mRNA, complete cds

ATCTGAAGTGAGGAAACCCCTCTAACTTCCTACAACCATACTTGATCCTTG TAGAGAAACCGCGGTTCTCTCA
AAAAGCAGCGGTCAACGTCGGTGGCCATGGCTCGGGCAAGTGGTCGGAGCAGGAATGGGAGCGATTCTCTCG
GGGGGAGGGTTTCTTAAGGCGACCTTCAGATTCTTGAAGATGGCGGAGTTTGAGATCCTTTTCGTTCTCTTCTT
CATCGTAGCTTTTATTGTCTTCAAAGATCTTACATCAAGACCAGAGTACAATCAAATACTTGTAAGAAGCCTG
AGGGATTGATATGTGGCCATTCCAGTAAATTCTCGACTTTCATTCATGTGATCCGATTCAATACTCACTATCA
AACTTTCTAAGTTTGTATCTTTTATGTAAAAATAACCATTGACATGTTGTCTTCTTTTGGTTGTTGATTTTTTCC
GTAAGTTGAGGGATGTAAAAATGTTCAATTACATGTTGACAGATTTATTGATGTTATCGTAAGTAGAAAGATA
TAAAAATGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4900 AY108839|Zea mays PC0072927 mRNA sequence

GGTGTTCGCGGATCCGATTGAGTAAACAAAGTATGTCGAGCCATCTCAGCCGCTGTTCTCGTCGCCGCCGAC
TCTGTCAGCCCTGCCGACGGTGGGTGCGCTAACTTCCAACCTCGTTGAGCCGATTGTTAGTTCTCGTCCAATC
AACAGCCTTCTCGATCGGAGCAAGTTGTGTCTAGCGAGGAACAACGAGAGGCCGAGAAAGGAAGTTCGCCG
AATCAACACGAGGCTGCCGAGATGACCGAGGTAGTCAAGATCAAGGAGTTGATACGGAATAATGGCCCC
CGAGATCGGTGGACAAAAGGCCACGAGCCACACGCTACGGCGATTGGGAACGAAATGGTCGGTGCTACG
ATTTTAAACATTCGAGGTTAGATTGTGAACAAGATCTTAGGATGATATGATTTCTGTAACCTCAATTCGTGAG
CTTTGTTTTCTTAATCAGAGTTATTATTCGTTTTCTGTAAATTCATTCAGTACTGTATGCGTTTCTTCGAGA
TCGAAAGGAAATTAGAATAATAGTATTCATCGTTTCAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4901 NM_179091|Arabidopsis thaliana PGR5-LIKE A (PGR5-LIKE A) mRNA, complete cds

TTAGCGCTCACCTTACAAATGCAGTTGTTAGAGACTCTTGATCCTGAAGGGACCTTGTCGAACTGTGGAAC
TGAGAATGTCTCCTTCTTTGGCACCATACTATCAGTTTCAAGTGGTGGCAACACAAACAATATCAAGTGCACAA
ACTGTGGAAGTGAGCTGGTTTACAACCTCAAAACCCGACTGATCACGTTACCAGAAGGAAGCAACGCCTAAG
TGAGAGGAATCGTTAACTGTAATTCCGGGAGAAACAAGACCAAGGGATATCATAAGGTATTGCAAGAATTCT
CCATGGTTGGATATGAATGATATTAAGATATTTAAACCCCTGCCTTG TAGAGAGAAGATTTTCCAGCTGTTGT
ACAACATTGTATCTTGGTGTACAAATTTGTGAATACTCATCATGTATAAACGATACCTAGAGAAGGGTGTGAT
GAAGTTTCAAAATGCCATCCAATAAACATAATTCATGTATGTAAATCATCAATCTAGTTGAATATTTCAAGAA
TTTGCAGTAGAACGGAAAGGAAAAGTATGTCCTTTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4902 AY951945|Triticum monococcum TmBAC 60J11 FR-Am2 locus, genomic sequence

CAATGGCTATTACAGTTACGGCTGCCTTTTGCTCCACCTCCACCAAAATCTCCATCAGAATCTTGTTGAAAC
GGACTTTGCCAACTTCTTCAAGAAACACATCGTTTTTGAGTCTTCTTTGCAATGCGAGTTAACCCCGTTTCTG
TGACTGCGTCTCCCAATCACAATATGCATCCTACCGTTAAAAATCCTGATACCAACAACCTGCATCTACAGTTTT
CTAAGGAACTGCTGTCATCTATACCTGAAGTTTAGAATAATGGAAGATGATCTCAAATTTCACTTGCTGTGA
GTATGCTTCACACCCAGCTGGGTTTTGAGAAGTTTTTAAGGTCCTGAAAATATCATCCTCACTTGAGGCTTATG
TTTTCTTTTTTCCTTTTTTTACATGCTTCAGTATCAGTGCAAAAATTACTGTAAATGGTCATTTGTAGACA
AATCTGATCAGTTGCATGTTGTAAATGTTAGCCATTCTGTAAAGAAACAATGATGATCCATGATTTATATGGA
AAATAAAGGAGCCATATATTACTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4903 AY060515|Arabidopsis thaliana At1g79660/F20B17_9 mRNA, complete cds

AATCTCCATTACCCTACCCTTCCATCACCTAAGATTTTGTGTTTGGTGCTAAATTTCAAGAGCTCATAGGAAGAT
TAGTGCTCTTGAATATGGTTCTTGACAGCATTCTAGCTTCTCCCATAGGAGATCCCATCATTCAGAAAGCAG
TTTCCTGCAAATGAATTGGGCAGTTGGTCTACTCTTCAAGCGGCATCGCTTCCTCTTAACCGCTCTAGCACTC
TTAACTTCTTTGCACAATCTATCTTACTTTGCTATCACTTTGGGGGCTACGGCATCGTCTTGTTGGGTTTG

ACTGGAAC TCAAAGAGAGTTGTGCCGTCTGGAGCATGCTAAAGCTTCTTTGGCTAACGGCAAATTA AAAATTC
TATGATACACACGTAGGGACTTCAAGGTACAAAACCTTCTCATGTATTGGTTCTTCTCTTTGGTGGGATTTGTA
TTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAATCGATGATTACTATAGATAAAAAGTTTCATTCATCCATTTTGATTCATACATATAA
CTTATAAGATGTAGCAGAATGTTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4904 EU331154|Arachis diogeni 60S ribosomal protein L1 mRNA, partial cds

CAATCTGTTGTGAAGCCAATTA AAAAGAATGTTAAGAGACCTCAATTGAAGAAGAACCATTGAAGA ACTTGA
ACGCCATGCTCAAGCTTAACCCATATGCTAAGACTGCTAGAAGAATGGCTCTTTTGGCAGAGGAGCAACGTGT
TAAAGCTAAAAAGGAGAACTCGACAAGAAGAGGAATTTGACTACAAAGGAGGATGCTACTGCTATCAGAGC
CGCAGGAAAGGCTTGGTATCAGACGATGATCTCAGACAGCGATTACACAGAGTTTGAGAACTTCTCAAATG
GCTTGGTGTTC CAGTAATTTCA TTTTCTTTATTGAAAAATCTCATAGACCTTAATTACTTTTGTTAATCTATTT
TGTTAAGGAGTTGTTATTCTTGCTTTTGATTGTTATTGCGTTTATGAAGAGAAGTAATTTGGGAGAACAAAGA
GTGAAATAACATAGATAATTAAC TTTTGCCGTTTGTCTCCCGTTTATCTAGATTGCTTCTCTTTGTTTAGTT
AAACCGAAATTACAGATGAGTGCAGCTTTATATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4905 NM_001186098|Oryza sativa Japonica Group Os02g0564200 (Os02g0564200)
mRNA, complete cds

GAGTGGACAATTTGGATCTCTATACTCGAAGAAGGAAAAGGAAATCAGAGCAAGCAATCTTCAATGGCGAAT
AAGCCTTTGGGATCGACGGGAGAGTTCTTCAGGAGGAGAGATGAATGGAGGAAGCATCCCATGCTTACCAAT
CAGTTCGTCATGCCACTCTGGCCTCGGCATCGCCCTCGTTGCTTTCGGCATCTACCTGTGCGCGAGCAAGT
TTACAACAGGATCAATTCTCCCTCGTCTTCTCACCACCACCATTCCGATGCATCCTCCGCCACCCATTA ACTCCTA
CCGATGCATTCTGTTAGGTGAATCCAAGCTTGAGTTCTACAGCACTCGTTCTCTTTTACCTCTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTAATGTGCAATAAAAGTAAAACTTTTGCTGGACAAACACTCGGAGCTTGTAATGTTCTTGATG
AGGTTGGGATTGAAATTTCCATCACA ACTGAAATGTTTAATTCTATAATCTAGTGGTTCTAGCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4906 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

TTAATCGACGCAGGGTGAGTCGGTCCCTAAGGCGAGGCTGAAGAGCGTAGTCGATGGGAAACGGGTTAATA
TTCCCGTACTTCTAGTTACTGCGATGGGGGGACGGAGAAGGCTAGGCCAGCTTGGCGTTGGTTGTCCAAGTTT
AAGGTGGACTCACCATGAAGTTGGGGCTTTAGATGTGGATAGAATTGACCTTGTTTGGGAGGCAGCACTAAA
ACATGGCCTAAAACAGTCTCCACCAAATGAAAATATAAAATCAAATAAATCTTACCCTTTTCTTTAATCCCT
TCATTGCATTAAATCAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGTAATTACAAATATGATTTGGTATATGT
GAACTAGAACCAGTGAATTGAAGCATTAAATTTCAATATTGCAAAGCCCTTTTTTGTCTTTGCATCATGTTATT
ACTTACTATATATGTGTGTGTTTGTCAACAAAATTAAGAATTAAAGAAGTAGATGATTATTCTCAATACTTGT
AATTTGGATATTCACAGTTTTGTTTCCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4907 NM_001073114|Oryza sativa Japonica Group Os12g0284000 (Os12g0284000)
mRNA, complete cds

ATGGGTGCCTGGGTCATGGGAATGAGGAATGTGAGTCTTCCCCTAAGGTGGTGGGAAGCATTAAATCAATGTCA
AGGCTGTTTCATGTTGCTACAGGAGATTATACAACATTCGTAGTATCTGATGATGGTGACGTGTATTCTTTCGGT
TGTGGAGAATCAGCTAGTCTCGAGCATAACGTTGTCGTTCCCGAGGAACAGGGGAATCGACAACCACACGTT
CTAAGCCCAGAACTAGTCAGGTCCCTGAAGCAAATTAACGAACGGGTAGTTTCAGATTAGCCTCACTAATTCAA
TTTACTGGAATGCACACACCTTTGCATTGACAGAGTCAGGTAAGTTATATGCATTTGGTGCTGGAGACAAAGG
ACAGCTCGGGGTTGAACTTGCAAATCAAACCGAAAGGGGAAATCCAGAGCGAGTTGACATTGATCTAAATTA

ACAAAAAAGAAAAATTCAATAACTTTCTATATGCTAATGGTTATGCCATTGCATTTTAATCACTAGATTTGGCA
AATGATATTATTAATTTGTAAATAGGAAGGGAAAAAAACGAGGGAAAAAAATTGTGAATGGTTTTAT

>trans_s_4908 NM_202515|Arabidopsis thaliana PDE320 (PIGMENT DEFECTIVE 320) (PDE320)
mRNA, complete cds

AAAAAGAAAAAGTTTAGTATGGAAGTTGCGAGCGAGGAAATTAGGGTTTCGAATTTGACAGTCGGTTCTGC
TAATTGGGAAGACGACATGTGTAGAGGTTAAGGATAAGGTGAAGGGGAAGGGCGAAGGAGAGAAGAAACG
ATGAAGAAGCTAAGATGGGCAATGGACGGGTCTGGGATCTCGATGTTCAACGTCTAGAACACTCGATGGC
TCTGCTTCCCCGGTTCTTCTCCTTTTCACTTACTTCTTTGGGATTATCCAGAGGCGTTCGTCTTTCCAGAGCCA
AGCAGATCGATTCATGCAGAGTTTCATGGTTGCTCCTTTTGTCTTCTTATCCCCCTCCCATGGCTTCTCTCT
TCAACGCGTCTTCTCCATACCCTTTTCATTCTGGCACTGCAGCTCCATTACTCTCTTAGGCCAGTTCAATTTACAG
AAATTCATGTCCTCTCTGATGAAAACCTGGTTCTGGAGAGATGGGTCAGTCGTTTCTCATTACATAAATGTAT
TGGAAGGCATCTTACCAACGGTCTTGTATGCTGTGGGTATCTCTGCTGATATCTTGTTAC

>trans_s_4909 GU563825|Glycine max glycine and proline rich protein 4 (GPRP4) mRNA, complete
cds

TCTCTTCTCGCCATTTTTACGGAGCACACCACAATCTCTCTTCTTCTTCTACAGCTCTTGGAACTTGAAGAAA
AATGGGAGGTGGGAAGGAAAATGAAGATAAAGACAAAGGGCTTTTCTCAAATATGGCGGCGTTTGCTGCAG
GACACCACTATCCTCATCATCATGGATATCCACCACCACCGTACGGTGGAGCTGGATATCCCCCTCCGGGTGG
GTATCCGCCGGCTGGCTATCCCCGGCAGGCTATCCTCCTTACGGTGGACATCCTCATAAGCCTATCCTTATC
AGGGTGGATACCCCCCTGCTGGCTATCCTGGCCCCATCATTACCCTGGCTATGGACACGGACATGGACACGG
TGTGGGTGGATTGTTGGCTGGTGGAGCAGCTGCTGCTGCAGCTGCTTATGGCGCTCACCATCTTGCTCATGCA
CGTCCATTTGGGTTCGGCCACGGAAAGTTCAAACATGGAAAATTTGGTAAGCGTTGGAAGCATGGAGGCAAG
TTCGGGAGATTCAAGAAATGGAAGTGATGAATTTGCTACAACCTCATACCTGATGTATATCGGTTA

>trans_s_4910 AF039183|Fragaria x ananassa GAST-like gene product mRNA, complete cds

ATTTTCTAACCTTTCTCTCTTCATCTTCATACCATGGCAATTCCTAAAATCATCCCTTGCTTGTGCGATGTCTC
TTCTCGTTCTTTGTTTTGTTGAAGCTGATGACATGGTTGTTGGTGTTCGAGCTAGTCCCACTTTGACTCAAAATA
TTAATTGTGGAGGAGCTTGTGCATCGAGGTGCAAACATCTTCAAGGCCGAACCTGTGCAAGAGGGCATGTG
GCACGTGCTGTGCACGTTGCAGCTGCGTGCCGCCGGGCACTTCCGGAAACTATGGGGCTTGCCCTTGCTACGC
GAAACTGACCACTCACGGCGGCCGGCGAAAGTGTCCTTGAGTTAATTATTTCAATTATATAAAAAAGTTACTGT
ATTGAAAAGTCCGTCATAATTTCCCCATGCAAAGGTCTCTGTTCTGTTTTCGTTCGTCGTCATCTTCAACCTTTC
TAAGCTTTGATTAATAATAAAATTTTCAAAGAGTGTTTAATATAAGGAATTTATGTAAAATAAAGTTTGTATAT
GGGAGAAAAATCAGATATTTTTTCCCTGATCTCTTTGTTTGTTCCTTTTCCCA

>trans_s_4911 NM_001187203|Oryza sativa Japonica Group Os04g0661600 (Os04g0661600)
mRNA, complete cds

AAAGGTAGGCATTTGAGTTTTGTTTGCCGAATTGAAGTTCCGACATGGTGAGAGAGAAGAGCCCCGGCTTAA
AGATCCTCTGGGTTTGACTCTTGGCACCGCCGCCATTCTCGCTACAAGCGTTGTTGCGCATGAGATTGAGAGA
TATGGAGAACAACATACTCAACTCCGATCAACAACCATCCCTTACCACCAACAACTTCTTCCACCGATTCT
CTTCCCATTTCCGATTGTTTTCCGTTGATGATGCTGACAAATCACAGGTTTAGAAGCTTCGCGCCTTTTAA
TTGAAATTCAGCTTAATCTAGTAATTTTTCTTTTGAATTTATCATCAAGGAATCTGGGTTTTCTCAAATCCCA
TTTTCGGTGGAGGTACATAATCTGTTTGATAGAATTCCTCAATGGAAAGAACTGCCATAATTTAGTTGTAGT

GAGATTGCTATTGCTTTGGATCTTTGATGTTTTAGTTTAAACGAAGTGTTTTATGTTTACTGCTACATTTACAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4912 XM_002871991|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata HCF136, mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAATGTAATTCGTTTGTAGGATTATACTACTGAGTTATCATGCAG
CCAATAGCCATAAGTCTAAAGATGAAAAGCATACATACAATGTTCAAGGCTTGTGTAAGTGGTGGGAGAAGG
GGAAAATGATTATTTTAAAGGTCAAATAAAACCACAATGCAACTCTAAACCATTTTCCATATTTTCGTTAGC
ATGGCTTGACTAGAAATGAAAAGGACCAACTTTACACACCCCTGTCCCTTTACTAAGAAAAAGTCCTCCTCCCC
GCACAAGAAGCCAAAGACCACCATCAGCTCTCCACCCCATGTTCTGAATCCTCCTTGCAATCGCTCTATTATGT
GGCTGCCAGAATGGCTGCCAGGCTCCAGGTGAGGTAGAAGTTACCACGACTTGAAACAGCTACATAACGC
CCATCTGGAGAGCGATTTACTGTGTTAAAGGTTCCAGTATAATAGCTTGCCCCACTTATACCACTAGAACTGT
TCTATTAAGAGTGGCAGAAACAGTCTCCTGAAGTGCAGCCTTCCAATTATATCCCTTGTT

>trans_s_4913 DQ011883|Arachis hypogaea subtilisin-like protease mRNA, partial cds

ACATCCCTGGAATCTCAACAGCCCATCAATTACCATCGCCCATCTCGTGGGAAGTAAAATCGTTACTCGCACTG
TAACAAATGTTGCCGAAGAAGAAACCTATACAATTACTGCAAGAATGGACCCTGCTGTTGCCATAGAAGTGAA
TCCTCCAGCAATGACTTTACGGTCTGGTTCATCAAGAAAATTTTCAGTAACTCTCACGGCTCGATCACTGACAG
GAACATATAGTTTTGGCCAAGTTCTACTTAAGGGCAGTAGAGGACACAAGGTTAGAATACCCGTTGTACCCAT
GGGATACCAACGATGAGTTTGGTTTTGGTTAATTAGATAAAAGAAAAAGGTACAAGTTTTATTATCGGGTTGT
AATATTCTTTGTATGTGTTGGAATAAGCTAAATAGGATCTCAGATGTAATAGGTCTGAAATATGAATGTGGCT
GTAAAGATCAACTCAGAACAAGGGAGGAGGCTACTGGTTTCTTCCACCTAAGTTTTCGATTACTAATTTGTTTA
GTAATACAGTTAGATTTTTGCATAATGAGTTTTCTTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4914 AF002016|Cucurbita sp. cv. Kurokawa Amakuri acyl CoA oxidase homolog mRNA,
complete cds

AACTTGTTGGGTGGAAGAGTTGGCCTGGCATATTCGTCAGCTAGTGTTCTTAAGATTGCTTCTACAATTGCAATT
CGATATTCACTGTTACGTCAGCAGTTCGGTCTCCAAAGCAGCCTGAAGTCAGTATTCTGGATTACCAATCTCA
ACAACACAAGCTAATGCCTATGCTGGCATCAACATACGCCTTCCAATTTGCTACTATACAAGTGGAGAAGT
ATGCACAGATGAAGAAGACTCATGATGAAGAAGTGTGGAGATGTGCATGCATTATCAGCAGGGCTTAAGG
CTTATATTACTTCATACACAGCGAAGTCATTGAGTACCTGCAGGGAAGCCTGTGGTGGCCATGGATATGCTGC
TGTAATCGCTTTGGTACTCTTAGGAACGATCATGATTTTTTCAGACTTTTGAAGGAGACAATACAGTTCTTCT
ACAACAGGTCGCAGCATACCTCTGAAGCAATACAAAGAGAAATTTCAAGGTGGGACACTTGCAAGTTACATG
GAACTACTTGCGAGAATCCATGAATACGTATCTGTCTCAGCCAAATCCTGTCACTGCACGCTG

>trans_s_4915 AY108844|Zea mays PCO129644 mRNA sequence

TGAAGGCTCCGGAATCTGTGCAACAAGATCTCGAACATGTCATTGACTGGAGCAGAGAGGAAGTCGGCCA
AATACCTCCTTCAGAGCCTCAATAACTACGAGTCTGCAGTTGGCGATTCCAATATAAAGACCGCTCCACATATT
GAAGCCTTTCCTCCCGCATTTTCAGGCGAGCCCTCGGAATCCATTGTTCTAGACATTGCATTCAACTTCATTGAC
TTCCCATCTCTTGAGAATAGAATGAAAAAGGACAGAAAGGGCTTTATCAGTAGGCTATGGGGATGAGTTCCTT
TGGCAATTTTTTTTTTTTCACTTAAGGTCCTCTCTTTCTACACAGTTTTTGTCTGAGACCACGGTTTCCATCCT
TTAACAACCTTCACGGCCCCTTCGCTCGAATTTTGGCTCACAATTACAAAACAATCACGTGTTTATTTTTTGGTTT
CTCGTGGAAGTATAACAGACATATAATTCCAAAATTTTCAGGATTTTTCGTAGAAACCTACTTGTGACTAGAGAA
TACACATTTGTTTATCTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4916 AY103695|Zea mays PCO065803 mRNA sequence

AGGGTTTTCTGGTTTCCAATTTACCAAATCTTCTTTGAGATCTTGTGGTCAGTCAAGCAGCAATGACGAA
GAGAACCAAGAAGGCAGGCATTGTTGGAAAATATGGTACCCGATATGGTGCCAGTCTGAGAAAACAGATCAA
GAAGATGGAAGTCAGTCAGCACAGTAAATACTTCTGTGAGTTCTGTGGAAAGTATGCAGTTAAGAGGAAGGC
AGTTGGAATTTGGGGTTGTAAAGATTGTGGTAAAGTGAAAGCTGGTGGTGCCTACACTCTCAACACTGCTAGT
GCTGTGACAGTGAGAAGCACTATTAGGAGGCTGAGAGAGCAGACCGAAAGTTAAGCCATCTTCACTGCGTAT
TTTCGCCCTCTTGTATGGAAAAGATTGCTCCCTCACTACACTTTTCTTCATATCGGTGTTGTAGGAATTGGTT
ATTTGAAGTTAATTGAAATTGATCCCTTTCTTCATTTCTTATACCGTTGGCCACTTTTCTATTGATCGTCAATGGA
GTTTTGCTCAAGTTTACAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4917 NM_001052435|Oryza sativa Japonica Group Os02g0150100 (Os02g0150100)
mRNA, partial cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTGTTAATCAATGATTTCCATTTGTAAGTGAAGATCGAATCAATATCA
ACTCACAAATGTGAACGCAGATAAAACAACAACTACATGATTTCAATTGGAATATCTAAGCACCCTAATTTAT
CAGTTCATACATTTACAATCCGCTTAGAGCAAGGGGGAAATCAAACAAAAAAGTTCGTTACTCTATTCTCAGCT
TTTTCAAATTTCTCCTCTATAACCGCTGATCCAAAATAATCTCTTCTTGAAGTTCGAATTGCCATGCTTTTCTGG
TGCTCTAAGTGGGGCAGTCACGGATACGGTGGCCAAGTCCACCACAATATGCGCAACCTTTGACACCGCTTG
CATTCGTGATCGTTCCACATCCTCATTGGGTGATTGAGCTCAGCCAACACTGGTGGAAATCCTCTGTTTGGCT
TCTTGCAGAAGGTGCTTTAAATCAAGGAGAGTTGTTTCGCTTTGATTCTTGTATGAATGTTGTTGCAATTCCT
GTCTTACCACATCGTCCTGTTGTCCTCAATCCTATGAACATAATTTCAATT

>trans_s_4918 NR_022067|Arabidopsis thaliana (AT1G11185) otherRNA

AACCAACTCTCATTCAAAAACCTTCACTTCTCACAATATTTAACATTCTAAATCCTCCACTACTCATGGCCGGT
CACAGAAGCGACTACATCACGGCGCCGCTACTCTCCAGGGCTTCTGCCCGTCCCATTCCCAAGCGAGGAC
AGGTCAAATTGGGGATTATGGTGGGTCTTGCCACACCGTTGCCTCTATCTTCTACCCACCACTCGTCGGACC
TAGACTACAAGGCGGCCAGCGGTGGCTCTCAGCTGAACCGCCCGGCCGACCCGGCTCACCTTTTTTCTTTT
TCTTTTCCCTTTTTCATGAGTTTGATGATGGAAGAGAAGAAACGGCATGGAGAGATTGGAGAGTCTCGGAGC
TGTTTTGGTCTCTTTTTGTAAAAACAATTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCAATTAATGGG
AAAAAATGGAGATTTCTTCTCTATTTATGATTTTGTGCTCTTAGTTGTTTAATCTTCTTTCTTAAGTATAATA
AATTATACAAATTAACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4919 U11638|Solanum tuberosum L. chloroplast ribosomal protein S16 (rps16) precursor
mRNA, complete cds

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGAAAACTACCCATGTCATAAGAGT
ATAGATTACTATGGACCACTAACCCAATGACTATACATGATTCCATAAATGAATCAATTACATACCAGTTCCA
AGAAATTAGAGTTATGGTAAACTTCGTTTAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAGCCGTTTATCGAATCAT
TGCAATTGATGTTTCGATGCCGAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGTAAAGTGGGTTTTTATGATCCGATAAAGAAT
CAAACCTATTTAAATGTTCTGCTATTCTATATTTCTTGAAAAGGGTGCTCAACCTACAGGAACTGTTTCATGAT
ATTTTAAAGAAGGCAGGTGTTTTACGGAAGTTTCACTTAATCAATAACCGAAATTCATTTTTATTAATGAAAT
AAAAAACGAGGGTGATACTTAACTTGATATAGCTTTGACTAACCTTTTCTTTAGTATTTCCCTCTCTC
TTGTTCTATCTTATGAACTGAATAAGACTACCCGCTGAGTTTAAGCATATCATATTC

>trans_s_4920 EU809511|Garcinia mangostana AG-motif binding protein mRNA, complete cds

TGGCCCACTCACTCCGAGTCACTACCCGGTCCGACTCGGTATTCTCCGCCAATAGCAACTCCGATTTGTCGGC
AGAGCTCTCTGTTCCGTATGAAGATATTGCTCAATTGGATTGGCTTGCAAACCTTTGTTGAGGATTCATTCTGTG
GTGGAAGTCTTACAATGAACAAAGAAGAGCCCAAGGATTTGACACATAACCAATTCCAAACCTCTAGCCCCAGT
TTCTGTTCTTGAAAGCAGCAGCTCTTGCTCTAGTGACAAGACCCTGCAGCCCCGTAGCCCTGAACCAACCGTCC
CCTCCTGGTCAGCAGCGTGGCCGTGCACGCAGCAAACGCCCTCGCCCTGCAACCTTCAATCCCCGGCCCCC
AATTCAGCTTATTTCCCTGCTTCCTCTGTCAACGAAACAACCACCCCTGATCAAACATTGCAGCTTGTTCAAA
GGCCCCATCACACACCGAGAACTTCGCCGAGTCCCGGCCCTTCGTCAAAATTACCAAAGCATGGTGCTGCTGCC
TCACGAACCCATAATAATAACAACAAAAAATCAAGCTGTCTTTCTCGCTTGCCCCCCC

>trans_s_4921 XM_002889828|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T23J18.22, mRNA

GAAAACCAACGTTATATTATATAAGAGAAGAAAAGGATTTATATTGTTGGTTTTGTTGGAGAGAATAAGAGA
GATGGAAGAAGAACAGGGTGATATAATTGGGAAGGCTTTTGTTGGAACATTATTACCATTTGTTTGATAATGAA
AGAGCTTCTCTTTCATCTTTGTATCAACCTGATTCAATGCTCACCTTTGAAGGCCAACAAATTTTAGGTGTCAAT
GATATCTCCACAAAGCTTCAGCAATTGCCATTTGAACGTTGTCGACATGTCGTTAGCACCATAGACACGCAGCC
CTCCTCCGTCCCTGGCTCCATCCTCATCTTCGTCAGCGGTAGCATTGAGATACCCGAAGAAGAACACCCACTCA
GATACAGCCAGATGTTTCACTTGTTACCATCACCACAAGGCAACCTTTTTGTTGAGAATGACATTTTTGCCTCA
ATTATGGTTAAGTTCGTTCTGTTTTCTTTTCTTTGTATTTGAACACACAAATGTTGTAATTTCAAAGATTTT
TATTTGTATTTGGCTTCTATTATAATATACATCATTTCTAGTTTCTTTTTTAAA

>trans_s_4922 AY263347|Glycine max protein kinase Pti1 (Pti1) mRNA, complete cds

AAGCCCGTTGATCATACCATGCCTCGTGGTCAGCAGAGTCTTGTTACTTGGGCTACCCCAAGACTAAGTGAAG
ACAAAGTTAAACAATGTGTTGATCCAAGGCTGAAGGGTGAATATCCCCCAAAGGAGTTGCCAAGCTGGCCG
CTGTGGCAGCTCTGTGTGTGCAGTACGAAGCCGAGTTCAGGCCAAACATGAGCATCGTCGTCAAGGCTCTCCA
GCCGCTTCTAAAGCCACCTGCCCTGCTCCGTTGTGGAACCTTGAAGTAAATTGATATCCGTTTTCTCCCTCTC
TGTTGATATATATGTCAGCGCTACATTGCAATGTTTGCTTTCATGGTGACCATATAGAATTCATAATATTCATT
ATTTATTCCAATTATTATTGTTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAACCCCCAAAAAACCCCTCCAACACTTCCCTTTAAGAGGGGGCCCCGCCCCAACCCCCC

>trans_s_4923 AY093996|Arabidopsis thaliana AT5g49830/K21G20_4 mRNA, complete cds

TCATGTGTTTTGCTGCCCAAGGTCGATACTTATCCCGGAATCTGCACAGAGTTGTCAATGAGATCATATCAAAA
GCAATGGCTGCATTGCTACAACAGGAATCGATCCAGATAGTGTACTACCGGAAGATGAGTGGTTCAATGAT
GTTTGTCAAGATGCAATAGAAAGATTGAGTGGAAGGCCAAAGGCTATAAATGGGGACAGGGATCCTAACAG
TCCAACAGCGTCGGTTTCAGCACAGTCGATTTCTTCTGTTAGATCTCATGGGAGTTCTTAAGAGTCACAATTC
TCTTTCTTGTAATTAGACCATCCAAGTTCTTCTAGTGGATTTGGATTTGTGAGCATTGATCTGTCAATTACGCC
CATATCTTTGAATCTTATTCATTTCTGTTTCTATTTAGAGGCTTCCTACTTTTGTACTAGATAAATTTGCAC
AGCGATAGCTTGGCATGAAGTTTTTGACAAGCATCTAGTTTGTAATGATGGTGAACGAGTTGTTTTGATATT
ATATATTTGTCCATTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4924 AL161537|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 37

CATCATCTCGTTCTCTTCCAATTCCCTCATTTGTCGTTCTCTCAATCCTGCTAGCAACGACCGCGAAGAGCTCC
GATGGATACGTGAGGAGCAGCGCTGGTTTCGCGAAGAGGAGCGGTGGATCCGCGAAGAGCAGCGTTGGGC
CAGAGAACGCCAGTTGCTTCTGCAGGAAATTGCTGAACTTAAGCTGCAAATTCAAGCGTTAGAACGCCGAAAT
TCCGTTCAAGGAGGAACAATTTCCGTATCGGAACTATTGCGAATATCGCTGGCCTGTTGCAGGTCTTGAAAG

AGAAGAATCTGATCGCCGAGAGCGGACCGACAGTGAGTCGCATTTTGTGGATGAGAGTAGTCGTGAAGAG
GATGTGGAGATAGAAAAGAAGACGATTGTTGAAGAGTCGTCAAGTTTTCCGAAGAAAGTAAGGCGGAGAA
AGAGGTGAAGAAGGAGAGAAAAGTCTTTGAGAGTTGGTTCAGAAGGAGCGGAAGTCCTAGCGATGCAGGTCT
GCTCGACATACGCATTTCTTCTATCAAATATTAGAAGGAAGCATTGCTGGGGCTAGGATTTTACTGCGGT

>trans_s_4925 NM_102728|Arabidopsis thaliana glycyl-tRNA synthetase / glycine--tRNA ligase
(AT1G29880) mRNA, complete cds

CACTCTTACTACATGAGGCCAAGCAAAGCAGGGGATGAACAATTAATGTATTTAGATTTCTCCCCTTGTGGC
ACCTATCGAGTGCACAGTTTTCCCACTTGTTTCAGAATCAACAGTACGAGGAAGTTGCTAAAAGTTATCTCCAAGT
CATTAACTTTTTCTGGCATTTCCTATAAAATTGACATCACAGGCACATCAATAGGAAAACGATATGCAAGAACA
GATGAGCTTGGTGTTCCTTTGCAATCACTGTCGATTTCAGCATCTTCGGTGACAATTCGAGAGAGGGATAGTA
AAGATCAAATTCGTGTGAGCGTGGAAGAGGCAGCCACAGTCGTGAAAGATGTTACGGATGGTCTGAGAACAT
GGGAAGATGTATGGTCTACATTTCTCATCACACCTCTGCATCTGCAGAAGATTGATTGAATTAACCTATAGCA
GGTCTCCAGTTTGATTAATTTTGTCTATACATTTGAAAGAAAACAGCATTGGATACATTTGTAGTTGATTCA
GGACCTTCTCTTTATCTATAAAAGCAATTACAATCAATAGTACTTGGAAGATTCTTT

>trans_s_4926 NM_001036666|Arabidopsis thaliana emb2726 (embryo defective 2726); RNA
binding / translation elongation factor (emb2726) mRNA, complete cds

GAAAGAGAGATTGAGTTGCAGAGGGAGGACCTTCAGAACAAACCAGAGAACATTAGGGAGAAAATCGTTGA
TGGGCGGATTTGGAAGAGGCTTGGAGAACTTGCTTTTAGAACACCTTTCATTAAGGATGATAGTATTTTG
GTCAAGGATTTGGTTAAGCAAAGTGTGCTTCTTGGTGAGAACATAAAAAGTTCGTAGATTTGTTGCTTCAC
CATTGGCGAGACAGTTGCAGATGCGAATGAGAAAACCGAAGCATGAATGGAGAAAAACAGAATACCGGGGC
ATTGAGAACAAAGTTAGACATGGGATCATGGTAGCAGATAGAAGAATGTGAAGCCATGGTGAAAGTGTTTCT
GTGGAGAGAACTTTAATATTCATTTTCCTCTCTTTTTTGGTAGTGAAGAGTTGAGTTTTACTGAAAAGCTGCA
TGAAGCATTTTGTCTGAGAGATTATAAAAGCTTCTTCGTTTCATATTATTCTCTGCATTTTGGCTCAGTAATGTA
TTAATCTGTTGAGGCATTTCTGAATTGTCATATTCATTAATTTTCATATCATATGAATTGTTTGA

>trans_s_4927 NM_125450|Arabidopsis thaliana kelch repeat-containing F-box family protein
(AT5G60570) mRNA, complete cds

TGAGAGCAGATTCTCAAATGGATGGGGACTTGCTTCAAAGCTTGTTGGGAAAAAGCTTGTTGGTTGTAGGAG
GACAAAGAGGCCCAGAAGGTGAATCCATTGTGCTAAGTTCATGGTGCCAAAGTCAGGAGCCAATAATGGGA
TTTTGGATTGGAAGATAGTAGGAGTGAAGGAACATGTTGGGGTTTTTGTCTACAACTGTGCAGTTATGGGCTG
TTGAAGGAAGAATCATTTATACTTTGATTTGACAGAAGCTAGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTTCTCTTCTAC
GAAGGGATTTTCTAGTTTTTGGTTTTTATACTGTAGTTAATAATTGTTTACATAGTTTCACTTTTTCTGGATT
TGGCTTTTACTCAATATATGGAATTACATTATCTCCCTTTTGCTGCCTTCTGAATTGTTAAGTTATAGGTAAAT
AACCCCCACCCCCATTCTTGTGTTCTATCTTCTGTAGGCAAACATTTTATGTAAACTCAGTTTTCAATT
ACTGTTTCAGATTTTAGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4928 AL161565|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 65

AGTGCAACTATTGAGGAAAGATGGGACTGTGGCTGAACCTCTCCCTCGCGGTCAGCTAAGAACTAGCGCCT
GCTTCTTCATCGTCGGAGTTTCCTCTTCGCCGCCGGAGCTCACCTCTTTACCTCAACATCGGCCCTCAGCAAG
CTCGAACCAAAGCTCGTGATGATTTTGTGAGGGAGCGTTTGAGGAAGCGTCATGACGGTTAATGTGCATCTAC
TTGTTTCCGGATGTATTTAGTTGACTCTGAGGCCTCTCGGAAAGAGGAGATGCAAAGCAACCATTGGAGAGAC
ATCTTGAATGGAGCCTTATATGCCTCAATTCCTCTTCATTTCTTTTTGTACCTTTTAGGATTTTCTTTTAGGA

TCAAGAATACAATCGTATGTGAATTGAGTTGTTCTCGTGTATAGTTTTGCAAACCTCTTTGTATTACTTAACTTC
AATTATTGAATATCTTTTCTTTTGTGAGATAAATATTAGTTTGTACCTAACTACCATTATTTGATCAGTTCAA
TAAGAAAATTAGCTTAAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4929 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

CTAATTGCGACAGCTTCGGGAGTTCCGTGTGGAAGGGCTCTCGCTCAACGGATCAAAGGTACGCCGGGGATA
ACAGGCTGATGACTCCCAAGAGCTCTTATTGACGGAGTCGTTTGGCACCTCGATGTCGACTCATCACATCCTG
GGGTTGAAGAAGGTCCCAAGGGTTCGGTTGTTGCGCGATGAAAGTGGTACGTGAGTTGGGTTTAGAACGTCG
TGAGACAGTTCGGTTCCTATCTACCGTTGGTGTGAAAGGGAGAACTGCGAGGAGCTGGTTTCGACGTAGAGA
AGTCAAGTTGGGCCAACTCATGTGTACCGGTTGTTATGCCAATAGCAGCGCCGGGCAGCTAAGTTGGTATGG
AAGAACCCTGCGCCGCGGAAATCCTTCTATACAAGTTCTCGGACGAGGTTTTGAACATCACTTCGATA
GGCGAGAGGTGTAAGCACCGCGAGGTGTTGAGCGATCTCGTAAACGAAAGGACTTGCACTTTCCCATA
ACCAAAATGAAAGAAAGTCCCAAGCGGAAGTACCGGTATTGACTGAGCGCTACCTCTTAGTTGCC

>trans_s_4930 NM_001052611|Oryza sativa Japonica Group Os02g0178400 (Os02g0178400)
mRNA, complete cds

AACCAAATTCGCTAAAAACATTTCTTTGTGACGCTTCCTTCCCATCTCGGAGCCATGGATGCCGTAGATTCA
GTCGTTGATCCTCTCAGAGAGTTGCGCAAGGACAGCGTTCGCTCGTTAAGAGATGTCATAAACCGGATCGCA
AGGAATTCACCAAAGTTGCCGTTCTGACCGCTATCGGCTTCGTTGTGATGGGATTTGTAGGGTCTTTGTCAAG
CTAATCTTCATTCCGATCAACAATATCATTGTCGGATCTGGTTAGTTTAGGTCATGATGAAGTACGTAGGTGAT
GGCGGCTGGCGTTTACGTTTAGTGCAACCTGTTTTCATTGAGGAATACTGAGCATTAGGTCTCCTTTAGAACT
TTTAAACCCGTGTGCGTAAATTGAGTAAACCCAGGATATATGGAAATTTCTGTCATATTGATGAACTCACT
TTCTATTTAAATTTCAATGTTATAACATGTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4931 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GAGTTACTACCCCTTGATCACTTAACTACCCCAAACATCTGACTGCATTTTCCAACCTGAAATGGAATATTACTA
CCGAAATGGAATTGTACATCCAAATAGCCCTAAGAAGACATGATCCCAAGCGGATACTTGACATGTACCCCT
TCTTCCGGGTCCATCACAAGGGAAACGAAACCAAGATTGCTTTATCCGGTATCAAACGCGAGCTACGAGAA
AATAGAACACCTTTCAGGAGTATCAATACCGTTACATGAATCGTAAATGCATGAATATGGTGTACCAAAAAAT
CTGCGGTTCTAACGGAATAGGTAACAAAGCAACTTTCGCGCCCACTGCCACTAAATCACCACCCCCCAAGTC
AAACTGGTGCCTGTTGTTGCACCGGGGGCCGTTATACTAGGTGCTAAAGTATGGGTGTTTTGTATCCATTGAG
CAAAGACGGGTGTAATTGTATAGCGGTATCTGAAAACATATCTTGGGGACGCCCTCCAAACACTTGGTGATG
TTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCACTTCCACTTG

>trans_s_4932 Novel Gene

ATTTCTAACTTCTCAACATATGGGAATTGGTCACAATTTTGCAAATCGCCTGTGCCTTCTCCATTTACATGTC
CTAATACCTTCAATTGGAGAATCGTGCAAGGACGGGTAGAGCAAGTTTATCACAGGTTTGGCGATAAAAATTG
TGGGATGAAGTTGGAGAATCTTGTAACATTAGACTTCATTGGAGTTCTGGCAACATATCTGGGGCAAGTTTTG
GTCTAATTAGCTGATTTAGAATTTAGATTGATAGGTGCTGCTAGTTTGAATTGGATCAAGTTAAAGTCATGAT
ATTAGGGTTTATAATATGCTTTAATGTCAGCCTATTGTAACATTGAAAATCATTTTTTGGCTCTGATTTGTAA
ATATCACACTAATCAGGCAACTACTTTGTAATTTGTTCTGTTACACTTGTAATTGTACACCTCCATAGCCACTCT
GCCTCGGCTGTTTTAGTCCAACCTACGATAGGTTCTCTATGTTACAGAAAGTACTTATTTTTTCAATCCAAT
ATCAAAGGTTGTCCAAGATTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4933 tpg|BK005805.1|TPA_inf: Lotus japonicus class III HD-Zip protein REV1 gene,
complete cds

AGATTGAGCAGGGGTTTTAATGATGCAGTGAATGGTTTTAATGACAATGGATGGTCGTTGATCAATTGTGAAG
GTGCTGAGGATGTGGTACTCACTGTGAATTCTACGAAAAATTTGGCACAACCTCAAACCTGCTAACTCCTTG
ACATTTCTGGGGGAGTTCTTTGTGCTAAGGCATCTATGCTGCTCCAAAACATTCTCTGCCGTGTTAGTTCG
TTTCTTGAGAGAACACTGCTCAGAGTGGGCTGATTTCAACATTGATGCATACTCCGCAGCAACCCTTAAAGCCA
ATTCATATACATATCCAGGGATGAGACCCACGAGGTTTACCGGTAGCCAAATCATCATGCCACTTGGTCACAC
AATTGAGCACGAAGAGGTTTGTTTTAAATGGCATCTGTTCTTGCCATCCATTGCTTGGAAGTAGATTCCATA
TTGGCGAGGAGGAGTAGCACTAACATGTTGAAAGCAATTACTTTTTCTTCAACATTAGTTTTGACTTGGATTTA
GTTATAATATCACACTATTAGGTA

>trans_s_4934 NM_111488|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing protein (AT3G06130) mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_4935 NM_001186728|Oryza sativa Japonica Group Os03g0773150 (Os03g0773150)
mRNA, complete cds

[illegible]

>trans s 4936 DQ444223|Nicotiana tabacum UP-9A mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_4937 GQ865547|Prunus persica cultivar Loring DEAD-box RNA helicase-like protein mRNA, complete cds

AACTCCACGGCGCAGATCCGAGGAGTTTCTCAATCTCTCGCTATCTTCCAACGCTTTCTAATCTTCTTCAAATCC
TTTCATCTTTCACTGATCTACAGATATGGCTGGTTTGGCTCCTGAAGGTTCTCAATTTGATGCACGTCAGTATGA
CACAAAAATGAACGAGTTACTTTTCAGCTGATGGACAAGATTCTTCACTTCATACGATGAAGTTTATGACAGTT
TTGATTCTATGGGCCTGCAAGAAAACCTTCTCAGAGGAATCTATGCCTATGGTTTTGAGAAGCCATCTGCAATT
CAACAAAGGGGAATTGTTCTTTTTGCAAAGGGCTTGATGTGATCCAACAAGCCCAGTCTGGAACCGGGAAG
ACTGCAACTTTTTGCTCTGGCATTGTTGTCAGCAACTTGATTATGGTCTTGTGCAGTGCCAGGCTTTGGTCTTGGC
ACCCACTAGGGAACTTGACAACAGATTGAGAAGGTTATGCGAGCCCTTGGTGATTATCTTGGTGTCAAGGTT
CATGCTTGTGTTGGTGGGACGAGTGACGTGAAGACCATCGCATTCTTCAAGCTG

>trans_s_4938 DQ001750|Cucurbita pepo voucher P.M. McNutt 025 (FLDCI) 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CAACCCGACTCGTTGACAGCGCCTCGTGGTGCGACAGGGTCCGAGCGCAACGGGGCTCTCACCTCTCGGGC
GCCCCCTTCCAGGGGACTTGTGCCCCGGTCCGCCGCTGAGGACGCTTCTCCAGACTACAATTGTCCATGTACGA
TCCATACTAGATCTGACCAACTGCCATCCTACCTCCTCTACGTTCTTGACAGCCCATCTTTGTCTCAGTAGAGT
CTTTCAGTGGCACGTGTTGCGTCTCTTCCCCATTACTTAGAAAAAGTGAGCCACCGGTTTCAGGTACAAGATAC
TATCATTACCGCCTGGACAATTAGACATCCAACCCGTAATCGCAACGACCCAATTGCAAGAGCGGAGCTCTAC
CAACTGAGCTATATCCCCCGAGCCAAGTGGGGCTGCATGAAGGAGTCAGATGCTTCTTCTATTCTTTTATTC
TTTTCTTGGCGTAGCTGGGCCATCCTGGACTTGAACCAGAGACCTCGCCCGTGAAGTAAATCATCGCACCTAC
GGTCCAACCAATTGGGAGAGAATCAATAGATTCTTTTCGGGAGCGTCATCAGTAG

>trans_s_4939 AY080720|Arabidopsis thaliana At1g14030 mRNA sequence

AGAGACAGGGAGCTGGAATTGGATCAATTGGAATATTACCAAGAAAGGAGGCTAAAGGATCTTGGGCTATG
TGGGGAGCAAGGTGAAATAATCTTTTGGGAGTCCAAATAGAAGGCCCTTCTACTGCCTTAACAAAAAGGCT
GAGAGAACATCAAAACATCCTTTTTTCAGGAATTAATAACATGGGGTTCATTATTGGCGTGTCTTGTCCACCT
GATGTTTCAATTAATCTGTGAGTAAATATTTGGTTTCTTCTAAAATCAAATAGGCTAGGTACATTGTCTCCATAT
TTTAATTAATAATTTATATTAATAATTGGTGATGAAATATCCTTTATTATATCCGTATCACAGCTTACGTGTTGC
ACAGTTCAGTTAACGTTACTATGTATTTTTCTTTTACTTGCATTTATCATCCTTCGTTAATGATGCAGTTTTTTTG
TTTTTGTATTCTTTTTTTGTTTTCTTTGTTTTGGGTTGAACAATGTGAGGGTTGATGGATTCAAATAAATGT
CTAAGTTTAGTCGATTGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4940 FJ858262|Glycine max cultivar Dare phospholipid N-methyltransferase (PLMT) mRNA, complete cds

GGATGTCGGTGTTCATGATTATTCTTTCACAAGTTCAACTTTGAGGCTTTGCTCGAGTCGCAGGATCTTCCTT
GGATTCAACATGCATCATAAAAATGTAACTAGTGTCAGAGCAGAATATATTTTAAAGGTACCCACGAAAGA
CAAGCAAAAAGGCTCAAAATACTTCCCACATACTGAGGATCTTTTATATATCCAAATGGAAATTACGTTACCCA
TGGAATGTTCTTCCCAATCGTACTCCATAGTAAACACCAGATTCACCGAGTAACTGGTAGACCTGAAGTTCA
AGAACGGTCCGAAAGCCATGAGAGGCCAGAAGTATAGAGGCGGGGGCCATGAGAAGGAGGAGACATGAAT
GATGGAGAGGAACTGAAGCAACTTGAGAAAAACCGAGACCTGGGCCATCAACTTGCAGGGTTCGCGCGATT
GCCGCACAAGTTACCCACAGCTGTGGACGATTCCATAAGACGTGGTAGTACGGAAATGGCAACAATACTCC
AATTGCGGCCAAAATGCCATTCTGACAATTTCTCGCCGATTTTCGCTCCACTTTCTGT

>trans_s_4941 NM_001068003|Oryza sativa Japonica Group Os08g0293100 (Os08g0293100)
mRNA, complete cds

ATCATCACTACTCAATTCTCACCTCTCATCCATTTTTAGTTTCCATCTTCACCATGTTCAACCACTACAATCCCTT
TTCATTTACTCACAAGCTCAAATCCTCAATCCCTTCTTGTTTCCGCCCCGATCACGATGCCGAATTACACGAAAA
CGAAGACGATAATCCTGCTCTCAAATCAATGACCTCTGACCTCCCGGAGCTCCGTGGGATGTGCCGGAGTCTC
GTCGCTCGGATCAGTTGGCCGAGTCGCCGACGCTACCATCACTCTGCTGATTTTCGATACGATCCTTCCAGCTA
TGCCCTTAATTTGAAGACGAACAAGTTGAGATGACAATGAGTTCCCAATTAGGGATTTCACTTCAAGATTGC
CGGCGTCGCCGCCGCCGCCGTAAATCTCATGCGATTTTGAACTATGGGATTGGGGATCTACAGATCAGTCT
CTACCCATTGATTCTAATTAATCTGTGTATACTGTAATTTGCTAAAGATGTTGTTCTAGAGCCAAGTGTATAA
ATATCTAAAAAAGGTTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4942 X80470|T.durum mitochondria atpA and atp9 mRNA

CCGCGGAACATTCTGTAGCAGCCACCGCTTCGGATCCTGCTCCTTCAATTTCTGGCCCCATATTCTGGGTGT
GCCATGGGGGAATACTTCCGCGATAATGGAATGCACGCATTAATAATCTATGATGATCTTAGTAAACAGGCGG
TGGCATATCGACAAATGTCATTATTGTTACGCCGACCACCAGGCCGTGAGGCTTTCCCGCGCATGTTTTCTAT
TTACATTCCTGCTCTTAGAAAGAGCTGCTAAACGATCGGACCAGACAGGTGCAGGTAGCTTGACCGCCTTAC
CCGTCATTGAAACACAAGCTGGAGACGTATCGGCCTATATCCACCAATGTGATCTCTATTACTGATGGACAA
ATCTGTTTGAAACTGAGCTCTTTATCGCGGAATTAGACCTGCTATTAACGTCGGCTTATCCGTCAGTCGTGT
CGGGTCTGCCGCTCAGTTGAAAGCTATGAAACAAGTCTGCGGTAGTTTAAACTTGGGCCAATGTGGCGCTAT
AGGGCGAAGTCGCCGCTTTGCTCACGGGTGGTCACTGGAGTCGTGACGCTCTC

>trans_s_4943 XM_002887384|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ALAAT2, mRNA

AGTTTAGAAAATCTTACGTGCAATAAAGCAGAAGGCGCAATGTACCTATTCCCCTGTATTAAGCTGCCTGTAA
AGGCAATCAAAGCAGCAGAAGCAGCGAACACGGCCCCCTGATACATTCTATTGCCGCCAATTCTCAATGCCAC
TGGAATAGTTGTTGTCCCTGGTTCGGCTTTGGTCAGGTCCCCGGTACATGGCACTTCAGGTGTACAATACTAC
CCCAAGAGGACAAGATCCCAGCTGTCATCTCTCGCCTGACCGACTTCCATAAAGCATTTCATGAACGAATATCG
CGACTGAGTTGCAAGACTTTTTGAAGCTCTAGGGACTCGTCCTGCGCATCAAGGTGCAACCAATTTTCCTTACT
TAGCAACTGATATGTGTGTTATGTCTTTTTGGGTATTGAATAATGTGAGGTTAGTTACCTAAACAATTTACTAT
GACACAGTCTTCTGTGCCCCAAATTTTGATTGTTGAGCTAAGCATCGTATCTTTAAATAGAAAATAAAAAGAA
CAAAGCTGTTACAGCGTAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4944 NM_105665|Arabidopsis thaliana PP2A (SERINE/THREONINE PROTEIN
PHOSPHATASE 2A); protein serine/threonine phosphatase (PP2A) mRNA, complete cds

CGATCTCATTGAACTGTTTCGGATAGGAGGCCGTACTCCCGATACTAATTACCTTTTCATGGGCGATTACGTCTG
ATCGTGGTTACTACTCGGTGCGAGACAGTTACTCTTCTAGTGGCTCTAAAAGTTCGTTACAGAGACAGAATTACC
ATCTTGAGGGGTAATCACGAGAGCCGACAAATAACTCAAGTGTATGGATTTTATGATGAATGCCTGAGAAAAT
ATGGAAATGCAAATGTCTGGAAACACTTCACCGATCTTTTCGATTACCTCCCTCTTACAGCTCTAGTTGAGAGT
CAGGTTTTCTGTTTACATGGAGGACTTTCTCCATCTTTGGATACCTTGGATAACATTGCTCATTGGACCGTATA
CAAGAGGTCCCCATGAGGGGCGGATGTGTGACCTCTTATGGTCTGATCCAGACGACCGGTGTGGATGGGGA
ATATCTCCACGTGGGGCTGGGTATACGTTTGGTCAGGATATAGCTACTCAGTTCAATCATACAAATGGGCTCTC
TCTTATATCCAGAGCTCATNCACTTGTCATGGGAGGATACAACCTGGTGTGAGGA

>trans_s_4945 AL161535|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 35

AACCAAACCTTAAGTCCTAATGGTAAGGTCATAGACATTACTCCAACCTCTGCTGCGTTGGCGACTTTTGCCTTC
AAGAAACTCACCTTCTCCAAGAAGCAGCTGGTGCCATTGTTGATGTCTTTCAAGAGTGAGAATCTGAGCTATCT
TATCAATCTGATCAAGGAAGGCAAGCTGAAGACAGTGATCGATTACGGTATCCTCTTAGCAAAGCTGAAGAT
GCTTGGGCAAAAAGCATGGACGGCCATGCCACTGGCAAAATCATTGTGGAGCCATAGGGTAAACACAATGTA
CTTTAAGCTGGTTTTGGCTTGTGTGGCTGTTGTGAAATATGTAAATGTCTAATTTAGTCCTAATGATCGTGTCA
TTTGTGTTTTGTTTTGTTTACTCTTTTAAAGTTGTTAAGTTCGTCATATATGTATTTAGTATATTTTCTTTTCAA
TAAGTTAGTGTGAACATGAAATGTTACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4946 XM_002870164|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At4g15770, mRNA

CATTGTGATTTGAAGCATCTCAATACCCTCACAATCATGGGGCACTCCAACGTTTGGAACCTCATCCTAAGA
ACTATGGCCCTGGTTCTCGCACTTGTCTGTGTGCGGAAATCCCATGGGTTGATCAGGAAGTATGGACTTAT
GTGTTGCAGACAATGCTCCGCAGCAATGCCAAGGAAATTGGTTTCATCAAGTACCGCTAAGAAGCTAATTAT
CCCTAGAAGAGAGAATGGGTTGAATTTATATTGAATAACGCTTCCCATGCTTTGGATATGTCTATCCCGGATGC
AATTTTCATCTCTCTGTTCAAGTCGTTGGGGTTATTGTCCCCAATGCCAAGCACAAGTTTGGCTTAAACCAAC
CTCTGATATGTCCTTCTGTATGAAAACCATGTTTTAAAGGCGGCTTAGGACGGATTACTGAAAATATTGTTC
CCGGTGATGGGGTCGTCATGTATTCTATGTCGGATGTGCCTTTGGGATTGGAATTGCGAAAAAGTCCACGCA
GGATTGAACGAAATTGGACCCAAATGCGATTGTGGTTCTACACCAATCGGATAT

>trans_s_4947 AY021796|Oryza sativa microsatellite MRG4121 containing (TA)₃₆, genomic
sequence

GGTTTATCTAGGAAAGGCCGACATTTAGACGAGATTGAAAAGTGATGAGCACTGGAGAAGCACTTCAGAAG
ACCACACTGGAATAGGTGTGATATTTAGGTGGTAGTTTCGTCGATTATTTGGATTAGTCATTTGATTGCCTCAA
CAAAGAAAGGTGGATTTGATAAATGATGTGGTTGCGCAACTCAGACGAAGAACTCTGAAGTTGGGGGAAG
GAAAAGTACATACAAATTAATTGGAATGGTAGCCTGAGTGAGGGTATGTCTAGCCGAAGCTTTGATGTGG
ACATAATTTTAACGTTAGTCGTATGACAAAATAACACTTATTAGGCAGAGATGGGGCAGTTTAGATCCCTAAG
ACAATCTACTAAGATATATGAATATATATACATACGTAGTAATCCTAAATAATCAATTATGGTGGGGAATAA
TAAGAGAACGTGACAATAAGGTTAAATGTTTTCTTAGTTGGAAGGGACAAAGGGCGGCCCCGTCTCTAA
ATCCAATTTTGACTTATCATTGGATTTATATAAATCTATAAGTTATGATTTTGTGATAAAA

>trans_s_4948 X58356|N.sylvestris gene for 33kd chloroplast ribonucleoprotein

ATCAAAGCAACCTTATCCAATATCACTTGATCGGATTTTTCATGTGACGTGGAATCCCAAGTGATATGTTAC
ATTTTCATCTTCCAAATCTGAAGCTGCCAGTTCCTCAAGGCTTCCCGGAGCAGAAAAATCCATCCCTATCGCT
TGGGAATCCCGCCATTCCCATATCTTCTCAAATGTCGGCTTATTCTCTGGCTGCTGCTGCTGCTGCAGCTTCA
GCTTCTTCATCTCCACTCTACAAGAAACACTTCTTCACTCAACATCCCAACCAAATTCCTCTCATTTTTCTCAA
AACACAACAAATTGAAGCTTCTCAACCTCACAATCCATTTACCCAATTTTACCCTCTTCTCTCTCTGTTTCT
CATGTCCACTGTGCGCCTCCGGCTTTCGATGAGCTTGAAATCTCCGACCCAGAAACAGAACACGGAGACGTAC
AAGAATCGGATGGTGAAGAACAACCCAAGAAGAAGATGAACAAAAAATATCGGTATCTCGTGAAGCAGGG
AAGCTTTACATCGGAAATTTACCCTATGCTATGACTTCTTCCATTGT

>trans_s_4949 NM_001073082|Oryza sativa Japonica Group Os12g0270900 (Os12g0270900)
mRNA, partial cds

AGAGAAGGAGATCCAATTCCAATAAGTTCCACATAACATTAATAATGCCAAAGTAGACAACAGAGTCTAGTC
CCTCTCTTCTTGTCATCTCAAGTTCCATTAGTTCTTCTTAAGAGGTTTTGGGTTTTGTTTGATATCATGTAAGA

TTTCTTAGTGTTTGTTTGTTTGTTTTCTTCCTATACTTATTTTTGTAAAGATAAAGAGCTGTTCTTTTTCTCAT
TCATGATTATATTGGGGAATTTTTTTTTTCCATTGTATCAATAAACAAATGCCTCTACTTAGAAGAGTTATTTTG
GTTTCCACCTTCCACAAAAGTCTACATTTAATCGGAAGTTTTGGTATAATTACGGTTACTCAACCTATTTTATCC
GACCCGAGTAAAAACTTTATAGGGTTCGATTTTCTACTTCACATGGTGTTAAAAAATGTATACATATAATTCTT
AAATATTTGAATGCATAAGATAAAAAGGCCAAACCATTTAACCTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4950 XM_002890218|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata immunophilin, mRNA

TCTGAAGGGAAAAGTACAAGGAAGTGATGAAGTATTCGTAGATACATTTGGAAAGGAAAGAAAGCCACTGG
CTATGGTGATGGGCTCAAGACCTTACAGCAAAGGAATGTGTGAAGGTTTGAATATGTGCTGAGATCCATGA
AATCAGGTGGTAAGAGGAGAGTTATAATTCCTTCAAGTTTGGGGTTTGGAGAGAATGGTGCTGATTTAGGAA
CTGGGTTTCAAATTCCTCCATTTGCAACTTTAGAGTATGTAGTTGAGATTGATAAGGTTTCCATTGCACCTGCTT
GAACTGATCTTTGATGCACATAGCTAAACCATAGAACATGTATTTGGTTCAATTCTTCCTTGCATTCCCTTTGTA
ATTCATGAAAATATAGAGAAAGGAACACACCACAAGGAGGATCCTTTCATTAGCTTTCTAGCTATCCCCTCGA
ACTCTGCAATATGGTTTGAATAATATTAATACATTCTATTGTTTTCTGTTATTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAATATTAATAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4951 XM_002864920|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase M3 family protein, mRNA

AAGAGGGGAGGTGCATGGATGGATGAAGTTGTTTACGAAGCTGTGTGTTAGCACAAGATGGCGCCCCAGC
AAGTTGCTTATTGCTCATATGGTGTGCAATCAAACACCGCCAGTTGGAGGAAAACCTAGTTTAATGACATTT
CGTGAGGTAGAGACAGTATTCCATGAATTTGGTCATGCACTCCAGCATATGTTGACAAAACAAGGTGAAGGTT
TAGTTGCTGGTATTCGTGGGATAGAATGGGATGCTGTTGAATTGCCATCTCAGTTCATGGAAAACCTGGTGTTA
TCATAGGTAGTTTGGTTCCAAGTTTTGTTGTTTGTGTTCTATGTATAATAATTAATGAATTGGCAAGCCTTCA
TTTTCTCTCAAATTGGTTGATGCTACTTCGGGATTGCAGTCCTACTGCCTGAGAAGTGTTCACCAATCAAGT
GACAGTGATTTATCACCTGTTTTTGTGTTGTAATGGTTTTGTTCTTTGGAGTTTTTTTATTAATGTTTTTGG
TGTATTACACTGGATTACCAGTCCTTATATGGCCTTGTAGTTTTTCTGATT

>trans_s_4952 U58971|Nicotiana tabacum calmodulin-binding protein (TCB60) mRNA, complete cds

TACGTATTCGTGAAGCAAAAACCTGAAGCTTTTACAGTTAAAGATCACAGAGGAGAATTGTATAAAAAACATTA
CCCACCTGCATTAAACGATGAGGTGTGGAGATTGGAGAAGATTGGAAAGGATGGTTCCTTTCACAAGCGTCTT
AACAAAAATGGAATATTCCTGTTGAAGACTTTCTCCGAATGGTGGTTCGAGATTCCCAAAAGTTACGGAGTA
TCCTTGGTAGTGGTATGTCAAATAAAATGTGGGAGGCTCTCCTAGAACATGCTAAGACCTGTGTCCTGAGTGG
GAAGCTGTATATTTATTATCCAGAAGAAACGAGAAATGTTGGTGTGTTTTAACAAATATCTATGAGCTCAATG
GACTGATAACAGGGGAACAATACTTTTCTGCTGATTCTCTGTCTGATAGCCAGAAGGTTTATGTAGATACGTTA
GTGAATAAAGCATATGAAAATTGGAATCAAGTTGTAGAGTACGATGGCAAGTCACTTTAGAGCTCTAACCAGC
CTAATAAGTCAAATTCATCCCGAAAGGACTTTCTTGGGGGTCATCTTGATCTTT

>trans_s_4953 FJ871001|Gossypium hirsutum ATP synthase epsilon subunit 1 mRNA, complete cds

ACAGGGAGTTTAGAGAGTAAGTCGGAGAACAATGGCGTCGAATGCAGCGGTACCCTTTTGGAGAGCGGCGG
GGATGACTTACATAACATACTCAAACATTTGTGCCAATCTGGTCAGGAACTGTCTCAAGGAGCCTTACAAGAC
CGACGTTCTCAAACGTGAGAAGGTTCATTTTCCGTTTCCAAGTGGGTGGATGGCAAGCCCCAAAGCCCACT
GTTAGGTGCGGACACTCCTGAAGCGTGAAGGTGTTGGTAGTTGCCATTTTGAAGGTGCTTCTGTTTTCTTATCA
ACATTCGTAGGATTGAATCACTTTTTGAAATCAAACCTTTCATGGAAATGGATTGATGAATCTCTGAATTTCCA

TAGGTTTGCAAAATGTAATAAATCTTGCTATTAAATCAACTATAAAGTTCTTTATGTTTGGTTTTTCCATGAAAC
TAACTCCGTATCCTGCCACTTTGAGCATTGGATCTTCATAAAATAATTTTTCTGTGTTGTATAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4954 XM_002868638|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata expressed protein, mRNA

GACATCAACAGAGATCGAAACAGAGAGAGGGTTTGAAATGAGCGGAGAGCCGGATAACGGAGGGTCTGAAG
GCGGCGAAGATCGTGGGGGCGGTGGTGGGGTTTGCAGCTTTCATCGGGTGTGTGGCGAGCATGTTGTCGTC
GGCGGACTCTGAACTGCCGGTGATAGGAAAATGATGAAGGCTCCGGGAAAGCATGGGGAGGAAATGTACA
GAGATGAGTTTGAGAAGGATCCTTCCAAGTATTTAGAGACTTGAGGAAGAAATGAGATCACTATAAACATCT
GAAGATATTAATAAAGCTCCTAATAATAATAAATTAATTAGTTTTGGTAATTTGTGGGGTTTTGTTTTCGT
TGTTGTTGATTTTCTGCTTTTATGAATGTTGTGTGATGATGAAGACACAGTACTGTGAGTGAGTTCTTATGGGG
AGTTTCAAAGTGTTGAATGAAATGGGAGCATCGTGCAAGTTCGTAAGTCTTTTGTGATGTAATAATTAACA
TCATCGTCCCTCGTTTAAAGATGATTGTTCCGTATTCCATTTTCTTCACACCTGCCAA

>trans_s_4955 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AGTCGTACTTTCATTTCCCACTCTGTTCAATATATAATGACGGAAGCAAATTTGGTTGGTTAATCCGATCAGTT
CATAGATGGTCGGCAAGTATGATGGTCTTAATGATGATCCTGCACGTATTTGCGTGTATCTTACTGGTGGATT
TAAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGGTACAGGTGTGGTTCTGGCTGTATTGACCGCATCCTTTGGTGTAACTG
GTTATTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGGGCAGTCAAAATTGTAACAGGTGTACCGGAAGCTATTCCA
GTAATAGGGTGCCTTTGGTAGAGTTATTACGCGGAAGTGCTAGTGTGGGACAATCTACCTTGACTCGTTCCC
GCGACCCGTGTGTCCCTTGTATTACCTCTTCTTACTGCCGTATTTATGTTAATGCACTTCCTAATGATACGTAAG
CAAGGCATTTCTGGTCCTTTATAGAGAATAGAAATCATAGATTTGTAATTAGTTATTTATGATTACTCAGGGGG
GAAGAAGAGTATTTTATTGCTGCAGATATCCGAAGACAGAACCAGGTC

>trans_s_4956 D67088|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 2 complete
cds

ATAATCGCAGAAGAAATAAACAAATTTGAAGCCTGGAAGGATTCTCTTGAAACTGTTCTACCATCAAGAAGT
TCAGAGCTTATGTTGAGAGGATCAGGGCCGCTGAAGTAGACAAATGTTTGTCCAAGATGGGTGAAGACATAC
CAAAGAAAAAGAAAGTAGCTATTAATGATCTTAGCTTGGGTATAGCTAACAACTACTTCATGGTCCAATACA
GCACTTGAGATGTGATGGCAATGATAGTCGAACGTTGGATGAGATACTTCAGAATATGCATGCTATTAACAGA
ATGTTTGATCTTGAGACGGACTTGTCTGTCTTGAAGAGAAGATTAGAGCAAAAGTTGAACGTGGCCAGAAG
TAGAGGTTGCATTCTTTGTGAGGCTTTGTTGATATTCTTACAGTTGCAGCATTATGTCTTGTGACTGCTTGTA
GCTTTATACGGTTGACAATTCAGTTTCTATTCTTTGTATCTTGTGGGGCGAATTGCCAATCATGCGAATACCA
AGTAATGTATCAAAATGAGACTATAGAGAAAAATAACTATTGCAATTGACTCGT

>trans_s_4957 NM_102160|Arabidopsis thaliana major latex protein-related / MLP-related
(AT1G23120) mRNA, complete cds

GGAGCAGATTTGAAGCTACACATTAGACTCTTCAAATGGCTCAGATATGTAAGATCTCAGAGCAAGTGAATA
TCAAGTCTTCTGCTCACAAGTACTATCAGTTTTTCAAGAACAAAATGGATTATGTCTTAGTTCAAATGTTTCCTG
AAATTTATAAGAGTTGTAAGGTTGTAGAAGGGAATGGTTATTTCTCATGGCAGCATCATCCACTTAAATATAA
CGCAGGAAGACCAGAAGAGATGAAAGAGAGGCTAGCTATTGATGATGCTAACAAGTCAATAACTTTTGAGTG
CCTTGAAGGAGATGCATTAAGAGATTTTGAAGTGCTTAAATTTAAATTTCAAGTTTTTGAGAATGGTAACAAT
GGAGGAACAGTTAATTGGTCAATAGAGTTTGTAAGGCAAATGAGGATGTGGCCTCACCACATCACTATCTCC

TATGTGTAAGTAAAGTTGCCAAAGGCCTTGATGACTACCTTTGCAACAACTGAACTTAAAAACCATCTCAACAT
GGTTTGGCTATTGAAATAATGATTAAATATCTCCTTATCTCTAGCTGTATTG

>trans_s_4958 BT011915|Arabidopsis thaliana At1g56250 mRNA sequence

ACTAGATTTGATGCCAACTCAACTTTCTCTTCAATTACTTCCAAATAATCAACCAAACAATTGTAATGATAATAA
TTCAGAAGCCTACGTTTGGTTGCACCGTAAACATAAACATCATGAAAAGAACCAAAGTTTGGAGTCTTTGTTAT
ATGGCAATAGAAGGGAAAGAGCCAGTAAGTTGTTACAGAATCATCTTGAGAATAAGGAATTCAGGGTTTTGA
GTGAAAGAGAAGACCGGTGGTTGGAGATTGAATTGGGTGAATTTTTCACACGCAAAAAGACGAACAAGTCC
ACATGAGTTTCATGGAAACCAAAGGCTTTCAGCTCAAATCTGGTCTTCTTATTCAAGGCATTCAAATCAGACCT
AAACATTGAGATCACGAACTCAATTTCCGATCATAGTTTAGTAGATAAATCACACACTACAATTGCCTTTTGGT
CTACAATTTGGTGATTGAAAAAGAGAATAACAAATAATAGTTGTATGATTATTGATTATTTTATTTGTTAACTA
ACATCTAATCGATTTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4959 GU171556|Ipomoea batatas microsatellite Stv_lpb_183 sequence

GGCAACAGGATTGCACCAAGAAGATCAAAAATTGATATACAAAGAGAAAGAGAGAGATTCAAAAGCATTCT
AGATGTGTGTGGAGTTAAGGATCGTTCAAAGATATTGCTTCAAGAAGACCCAATTAGTCAAGAGAAGAGACT
TGTTGAGTTGAGAAAAAATGCCAAATTAGAAAAGGCTTCCAAATCCATTTCCCAAATCAGCTTGGAGGTTGAC
AGACTTGCTGGTCAGGTAATTCATTTTTCATTTCCATCTCAAACCCTTCTAATTCTAAACCTTTCTTTCTTTCCCTC
TCGTTATTTGGTTCTTACGTAGTCGTTCTCTAAGATTTACATTCTCACACTGTCCAATTTTCACTAAATTTACTC
ATCATCTCCTGTTTTATATATTATTGTAACCATGAGTTTAAAAAATGAGTTATATAGTTGATTAAGCTTTACTAC
TATTCTTCATCATATTCACATCATCACTATTTTAAAGACGAGTTTAGTGAAATTTTGAATTTTCGTGGACAGTAA
AACAACAACCCGATCTCAGGGGTAAAATTGTAACATTTTCAAAAC

>trans_s_4960 GQ487332|Cucumis sativus metallothionein-like protein type 3 (MTP-3) mRNA,
complete cds

AGATCATAAGCAGAAAAAAGAGACCATTAAACAAGCTATTTGTTTTCCCTTCTCTTGCAACTTTTTAGCTTC
TTCACCATGTGTCATGTGGCAACTGCGACTGTTCCGACAAGACCCAATGCGTGAAAAAAGGGAACAGCTATG
GCGCTGTCATCATGGAGAATGAGAACAGCTCATTTGATGCCATAGTTATGAACTCCCAGCGGCCGAGCACAA
CGACAAGTGAGCTGCAACCCCTGCAGCTGTCCAACTGTGGCTGCAACAATTGAACACATACATCTGTTATTT
CAACTAGCACAGCTATGTGAAAGCCAGCAATAATGTAGCTGTGTTGAAAAAAAAAATAGTGTCTGTTTTAT
GTTCAAAACCTCTGTTCTTAGCTAGAGGTGTGTTATGAATAATGTCTATTTCTGTTTTTCATTCACAGTCATGTA
ATGTTGGTCACTTGTGTCCATGGAGTTAATGGATAAGTTATACTAGTACACTCTCTAAGCAACAGGATCCTACC
AAATTGCGCTATGGCGAAAAAGAAAAAAACAGAAAAA

>trans_s_4961 AF081954|Cucumis melo allene oxide synthase (AOS) mRNA, complete cds

AGATCAAAGAAGGAGAAGTGATTTGTGGGTATCAGCCATTCGCAACAAGAGATCCGAAAATCTTCGACAGAG
CGGACGAGTTCGTACCTGATCGGTTACGGGCGAGGGTGAGGAGCTTCTCAAACACGTCATATGGTCAAACG
GACCGGAAACACAGTCGCCGTCGGTTCAGAACAGCAGTGCGCAGGAAAAGACTTCATCGTCTTCATCTCTCG
GCTTCTCGTCGTTGAACTTTTCTCCGTTACGACTCCTTCGACATCGAAGCCTCAAACACTCCGTTAGGTGCCGC
CGTCACCGTAACCTCCCTAAAGAAAGCAAGTTTCTAAGGGAACAAGAAATAGAAAATTACCGTCAGTAATTAG
TGTATAGTTAGTAATTAGAAAGTTTAAATGAGAATTTAAAGATAAAAAAAGGTAAAAAGGAAAAGGAGTGT
GGGGTCTACCACTTTATAAGAACCAATGGAAGAGGAGATCTATGTGGGACCCCCACAACTGGCTTTTGTCTT
TGCTCAAAGATTGTGAAGTTATCAATAAAAGCTATATATATATAATTACCAATAA

>trans_s_4962 AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

GTCGCGCGCCATAGCAGCAGAAGGAGCTGTGATGTGGTTGACAACTTCAGCCTCAGACAGAACAGAGATCAA
AGGTGTGAGGTTAGTTTCTTGTTTAGTTTCAGATTGAGAACATTTTGGTAATCCAAAGATTCATCTTCATAAA
CTTCCCACCATTTCTTCACCAGCATTTTTATGTCTTCCCTGTCCATGTTCTCTTCTTTCCCGTGACCTCCATGGT
TTCGATCCCGCTGCACAATAGTGGACAACCTTGACTTTGTCGACGTCAATGTTCTCAGGATGACGCCACAACAT
GGCCATGACGAGGTTGTAAATGGGAGGAATGGGCTTGTATATGTCGTTGAAGTACATGTTCAAGAAGTCCTG
CTCAGCAAACAAAGTTGGAGTAGTGGCCTTGCAAGTCTCAAGAAGATCCTTGTAAAGTGAAGAGATCAGGTTT
ATACACAAAGAATCCAGCATTGAAGTAAAGTGGTGGTGGGTTTCCATTTCTCCACAGGCCATTTCACTTTGT
CTGGGCATTGTAAACCATCTTTCGGCTAACCTAGCCTCCTCCGTCCCTCG

>trans_s_4963 AY109033|Zea mays PCO139371 mRNA sequence

ACCTGCCCTTCTTCTCCTCCTCAGTTTTTTCATCGGGTTTTTCTATCGATCATTTTGCCCAATTACAATCTCTACA
ACAGTCGAGCTTCTCAAGAAGATGGTGAAAGTAGCGACCTTCTTGCAATGTCCTTGGGTGCTTTCGTTTTCTG
GCAGTCAATGGATAAACTCCATGTTTGGATCGCTCTCCGTCAAGACGAAAAGAAAGAGAGAATGGAAAAGGA
AGCAGAGATCAGAAGAGTTAGAGAAGAGCTACTGCAACAAGCGAAACAGAACGACTCTCTTGCTTAACTCTT
CTTTTTCTTCACCCGGTGCCCTTCTGTTGCTGCTACCGTTTTGAATCGATAAGTTTAGATTGACATTTTATTAT
AAGTATCGTTTGTCTGTTCTTGAACAATGATACTTGGGGGACTTATAAATGGTTGATTACTCATTTCTGCAATT
GTTGTGGTTGTCAAATGGTAAACAATGCTCATTTCAATTTGGAGCTTTTCTTTTGAATAATTGAATTTGCCTCA
CGATTCACTTTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4964 Z34269|H.vulgare (pMaW25) mRNA for beta-ketoacyl-ACP synthase

GAATGAGGAAGGTTTGAGTTATCGACAAGAAATCAAAGAAAACCTTAAAGTTTCTAAGTTTAATTTACTTCA
AAAGAAAAATGGCAAACCTGTCCCTGTGGCTCAGCCTGCAACTGCACTCCCAACAACCTGCTCATGCAACCATAA
TGTTGCTTCCATGAAAGAGAACTTCGAAGGTGATTGTGGCTGCAACAAATGCTCATGCGGAGACAATTGCAA
GTGCAATCCATGCAACTGCTAAATTTCAAAGCTTTCGATATGGAAAGCATACTAATTTACATATTAATGTGCTT
CTAATGATTTGAATTATGTATCAAATGGTTGTGTGTGTGTATGTTGTTTGTCTGTATGGTGTGTTGACAAAATGC
CGCTTACAAATACTTGAGAAATAAAATACCACACAACAACCTATTATTATATAATACTTGTATCTTGTGTTTTCC
CCCTTCAATGTCATTTCAAATAGGCCAGTTATGACTGGTTAATTTCTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAGGCCCCCCCGCCCCCAAAACCTAATCAATCCCGCCAACCCCA

>trans_s_4965 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GGATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAATTTCGGGGGAAAGGACAGGATTGCGTTG
CTGCGTCAGAAGAAGGATAGCTATACTGATTCGGTATACTCTAAAAACACCCTCGGTACAATATTGACGATCTT
ACAAAGATAAAATTTCACTTAATTTCCATTTACTGATCTCATCTTTACGGAATCGATCCCCCTTTTGAAGTGTAC
AAGAATATGTGGAGCTCGGCATGTCTGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGTGATATTATACCCAGTATTTCG
ATACTGGGTCAATCATAGCATTACTATACCTTCTCTATTTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGC
TTACGATACCTTTGGAAGCCCTCGTCCAAATGAGTATTTACAGAGAGCCGACAAGGAATTCCATTAATAACTG
GCCGTTTTGATTCTTTGGAACAACCTCGATGAATTTAGTAGATCTTTTAGGAGGACCAAATGACTATCGATAAA
ACTTATCTATTTTTACAGTGCGATGGTTAACTGTTACACCGGAGC

>trans_s_4966 BT008755|Arabidopsis thaliana At4g02930 mRNA, complete cds

AGAGGATCCGTTTCTTCTCACTCTTCCATCTCCGAATTGCTTTCCAGAAACGATGGAGCATCCAGTTCCATTCTT
TCGTGGAGATCCATGGCTACTTCACTCGCACAAAGCCTCATGTAAACGTGGGGACAATTGGCCATGTTGACC

ATGGAAAGACTACACTGACTGCAGCTATTACGAAGGTATTGGCCGAGGAAGGGAAAGCTAAGGCTATAGCAT
TTGATGAAATCGATAAAGCCCCGAAGAGAGAAAGAGAGGAATTACTATTGCAACGGCTCACGTAGAATATG
AGACTGCTAAGAGACATTATGCTCACGTAGATTGCCAGGACATGCAGATTATGTTAAAAACATGATTACTGG
AGCTGCTCAAATGGATGGCGGTATTCTTGTGTGTCTGGTCCTGATGGGGCCATGCCTCAGACGAAAGAGCAT
ATTCTATTAGCACGGCAGGTTGGTGTGCCATCACTCGTGTGCTTTTTGAATAAAGTTGACGCTGTCGATGATCC
TGAAGTGTGGACCTTGTGGAAATGGAAGTCCGTGAAGTCTCAGCTTCTAC

>trans_s_4967 XM_002323547|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 13 (CPK13), mRNA

TGACGAGCACCTTAGAAAGGCATTTTCCTACTTCGACAAGGATGGAAACGGTTTCATTGAGCCAGATGAACTT
CGAGATGCTTTAGTAGAAGATGGAGCGGATGATTGTACAGATGTTGCAAAGGACATCTTCAAGAAGTAGAT
ACAAACAAGGACGGGCTTATACTTACGAAGAATTCGTGGCTATGATGAAAACGGGAACGGATTGGAGGAA
GGCTTCTCGACACTACTCAAGAGAGAGATTTAACAGTCTGAGCATCAAGCTGATGAAAGATGGATCACTAAAC
TTGGGGAGTGAATAACACAATCAACCGGAACAGAGGAATTGCATCTAGTTTCTTCGCATACGAGAAGCAGTG
TAACGTTTGGCATACATCATCAGAAATCGCTTTTCTTGTGTGATTATTTGGTGGGTTGGGCCCCGGCCCCCTTCGA
TTAGTATGTGGCGGCCAGTATGTGTCTAACTGGCCACCTAAAATGTTTCTTTTTTTCTTTAAATGTAAAATG
CGATGCCTCTAGTGTTAACCACAACAGTACAGCTTCTTCTATTCTATTATAT

>trans_s_4968 NM_124077|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related (AT5G47060) mRNA, complete cds

TTTCTTCTTTAAAAACCTCCTTCCATCTTCTCCATTTTTCTCTCCCATGGATTCTCAAATCCCACCACCGCCGTAA
CTAAACCTGCTTCTTCCCTCCTCCTCCGCCGCCGACGACGACATGGAACCCGGAATCTCATCTCACCTTTCT
TCTCCAGAACCTTCCGTTCCCGATCTTCCCGTTTCGACGATCCTGTCCCTCTTCTCATTCTTGGAATCCTGTTT
CCTTTGCCGGAACCTCTCGGGAACAACACCGATATCTTCATGTACAGAGGGGATACTCCGTTTTGTAGTGAA
GAATGTAGACAAGAACAATAGAAATAGATGAGATGAAAGAGAAGAAATGGAGGAGGTCATCAGCTGCTGC
TATGAAAGCGTTAAGGAATAAAAAAGATCAACAAAGAAGAAGATCTACTTCTCCTAATAAATCTTCTCCTCCGT
CGGATTATCCTTTCTGTGCCGGCACCGTCGCCGCCGCTTAGGTTTTAAAGAACTCATAAGAACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4969 AB072391|Nicotiana tabacum NtSIP1 mRNA for 6b-interacting protein 1, complete cds

AAGAAACAATATACATTAGCAATTCTCGAAAATGTCAAATCTTGTCTTCTTAAGAACTGAATTAAATTAGTTA
AACCAAAGTATACAACAAAACAAGATTAGGGTGGGAGTATGTCACGTGACATCATTAAATGAGGCAGAGAGCT
GGTTTCATAATCTTCAGAGGAACTAACTGATAAACTACACGATCCAATGGTATAATCTTGAGGAAGGAATT
ATCCACCAAGTACCCTTTCTTTTTTCTTTTGATACAAATGATATCAGTTAGAGCCACCCACAGCCATTAAT
CAACAAGAAGACATCATGCACTTCAAATTATCCCTCCAGCTTCCGACTAGAGGCTTGCGTCAAAGACCTTGG
AGACATCCTCCCCAAACATTCCGAGCCCAAACATAGTCATGCTAGAAGCAACATTGAAACGTGAGAACAAATT
TTCTAATCCACTGGGAGTTGATTTCTTCCCTCGCTTAATCCTCTCAAGCTGAACCTGGGTCTCCATGAACATATG
CATCCGCTGCAGCTCCAAATCCTTAGCAAATTGCATCCTCTGCTT

>trans_s_4970 EU002394|Celtis occidentalis photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB) gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes, complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

GTAGCTACTAGACTAACAGAAAAGCTGCAAAAAATACAGCAGCGATACTACTGGAAAGGACGGTTTCAATAT
TTCCCATACGTAATCCTTTGTATAGACGTTGGGGCGGACGAACACTAAGATGGAATAGGCCCCGCTAATATGCC
CAATGTACCTGCTGCAATATGATGCGAGGCTATTCCGCCCCGGAACAAAAGGATCAAACCTTCGACACCCAC
GCAGGATTTACGGCTTGACCTTCCGTTAATCCATAAGGATCGGATACCCATACCTTTTTCAACGCACATCC
GGTTACATGAAATGCACAAAACCAAAGCAACCCCAACCTGAGAGAAATAAATGAATTCCAAAAATCTTCGGC
AAATCCAAAGAAGGTTTTCTGTACGTTTCATCACAAAATATTTCTAGATCCCAATACACCAATGCCAGATAGC
TGCTAAGAAGCACAATCCAGAAAACACAATATGTGCTCCGGCCACACCTTCGTAACCTCAAATACCCGGATTC
GTTAAACAAAACAGCGCATATTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCG

>trans_s_4971 AB263748|Ipomoea trifida DNA, self-incompatibility (S-) locus region, haplotype:S1

AGAAAAGAAAATTAATTTAGGTTTTCTCTCCCCACCCCTCAGTTTTGCATTATTCAGCCGCCCGCCAGTTCTC
CAGCGCTGATCGGCGATCGCCACTGGCCACCCGTCGCACGCTGATTCTGAAACCTCTGAATCGCAGTCGCAG
CTCTCTCTCTCTCTCTCGATTTTATACACACTGCTTAAAGGTTAAACGCTTGAGGGCGGAGAGATGGAAGGT
GGGGGAAACCGTCTTCTCCAGCTGATGCTTTTCCATTGTTCCAGGAAGGTATCGGGTTGGTTTTATCTCGTTG
GTCAGCTCTTCAGTTGGCCGTGGAATGAGTGGGGTGGTCGTGACTCTCGTCGTAAAGTTGAATTATTATGC
TCCGACATTTTACATGGTTTACTCAGAACAAAGAGCAACTATATATTGATGATTAGAAACAATTCTTGATGA
AGCTATGCTTTCATTGAATACACAGGTCGATGATGGCACCATTGAGGAGGTAGCTGAAAGATTGATCTTCATG
CATGAGGAATGTGTAAATCGTAACCTTAGCTCTATTGAAAGGTTAAA

>trans_s_4972 AB472846|Moss transformation vector pPIG1HGC DNA, complete sequence

TATTGTTTATAGTTGCTGCCATATTTAATAGTTGCTGTCATATTGTATAGTTGTTGCCATATTTCATAGTTGTTGC
CATTTTCTTATTCTGTTGTTGCCATATCTTATAGTTGCTGCCATATTTTATATATGGGTAACCTACATCTTGTTGTA
GATCTTGTTGGGACTATCGACATCTTGATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACC
CCCCCCCCCAAACCTTAAGGAACCCCCCACCCCAAGGGGGCCCCGATACCCAATTCTCCCTAAAGCGCA
TTGTATTACCCCTCCACGGCCCGCCTTTTAAAAACCCCGTGACAGCAAAACCCCTGGCCTTACCCAATTACC
CCTTTTGCAACAAATCCCCCTTCCCAAGTGCCCAATAACAAAAATTCCCCCCCCTATCCCCCTCCCAAAG
TTACCCAACCCGACCGGTAAAAGGGACCCCCCTGGAGGGGCC

>trans_s_4973 BT008304|Arabidopsis thaliana At2g21195 gene, complete cds

ATACAAAAACCATCTGAGGAGACAAAAATGGAGAGAAATTTACGGTATCCAAACGCCTTCTCTTCGATCGT
CGCTACGGTTGGGTGTTAGTCTCTATCTTCTCTCTCAATTTAGCTCCCGGTCTGTAAATTTTAAATTTGGAT
TTTGATGATTTTACCTTCGGTTTGCAGGATTGATGAGTGGAAGACCTTCGGAAGAAGCTTTGGCCGGTGG
CCGAGGAATGTTCTGCATAGTGCCTCTCGTGAAAAGTTTGGTTAACTCAGTCACACAGATGGTTAATGTTGCA
GCAATATCCACAGTTAAAGCTGTTGAAAATCCAGAGCTACTTTCACCTCAGGTACTACAAGCAGGTCTGCAGG
AAAGGCTTGAGAAATTCACGTCGTCCATACAAAATCACCATTTCGCCTTGGCTTCCAGAAAGTTACTGCTCCT
TCAGTTTCTACTTGTTCTTGCCTCTTCCAAATGAAAAAATTGATCACAGTTAGCTGAATGAATATTGATCCTTA
CTCACTTGAACTTAAAGTGAATTGTCTTTGAAAAAAGAAAAAT

>trans_s_4974 AY105545|Zea mays PCO081749 mRNA sequence

TATGTGGGAAGCGAATTGGATCCACACCGATCAAGAACAAGGGATGCTAGTCCTGGGGCACTGCACAAGAGC
ATGAGTGCACAAAGGAGCCACCACTCGGACCTGCGGATCCAAAGAGGAGCGCTTCTGGAAGGCACACAGG
ACATGGACATGTAAAGAACTACGACTCTGCGTTGAAAGGAATTGAAGGACTTCAGTTGGAGAACGACGAGAG
GGTGCAATTATTAAGTAAAAAGCTCACTTGTACAAGAATTTTCTCCGGTGTGGGACAACACTCGTGCAAT

TTGCCGCTCTAGAATTTTGGAGGATTTTCTTCTCCTTTCATTTCAAAGGGGTGTGGTGATTGGGAACATACTC
CAATTTATGATTCTTAAGACAACAAACCAACCAAAAAGTCTTTTATTTGGGATTGTATTGTAAAGTCCTT
CACAAATTCGTCCCACTATTTAACATACATTTTACCATCCACATGTCTTCTCCCTTTGTCCCACTAGAAAAAACCG
TGAAACCTTGTAATTTGCTTCTTATATTAACGTAATTTGCCCC

>trans_s_4975 FJ358540|Gossypium hirsutum bHLH domain protein (bHLH1) mRNA, complete cds

CCGACATTTCTCTCACTCCACAATCGGAGACAGAAGATTATTCCTTTTTCCGATTTCTGTTTCTTCCAATCTCAA
TCGCATGACGGATTATCGTTTGCCGACGATGAATCTCTGGACTGACGAGAACGCGTCGGTGATGGACGCTTTC
ATGAATCCGATCTCTCTTCTACTGGGCTCCATCAGCCGCTCCTCTCACTCTCTTACCATCCACCACCACCTC
AGTCCTCCGCTCAACGTCCACTCCCCCGCCGACCCACCTAAGTCCCTCCCGTTTTCAATCAGGAGACTCTG
CAGCAGCGGCTCCAGGCGCTGATTGACGGTGCTAGGGAGAGTTGGACTTATGCGATTTTCTGGCAGTCATCTT
ATGATTATCCGGTTTTGAGTGTTGGGGTGGGGTGATGGGTATTACAAATGATGAAGATCTGAAAATAGGG
AAAAGAAAGGTAATGGATATGGAGATTGAAGTTAAAATCATGGGTTGGGATGCGATGATCAGAATCAAAGC
AACAAGAAGAATCATCCGGCGGCCGAACCAGCATGAATCCCCGGG

>trans_s_4976 AF262997|Ricinus communis NADP-dependent malic protein mRNA, complete cds;
nuclear gene for leucoplast product

GTTTGGTTTGGGTGTCGTAATTTCTGGTGCAATTCGTGTCCACGACGACATGCTTCTGGCTGCCTCGGAAGCAT
TGGCTGCCCAAGTCTCCGAGGAAAACACGACAAGGGATTGATCTACCCGCCCTTTACTAACATCCGAAAGAT
CTCGGCAAAACATTGCAGCTAATGTGGCTGCCAAAGCATATGAACCTGGTTTGGCAACCCGTCTCCACGCCCT
GCAGATCTAGTCAAGTATGCTGAGAGCTGCATGTACAGTCCCGTCTACCGAACCTATCGATAAATGCAACAAC
GTACCGTTCTTGTGGTTTGCATTTTAGAGCTTTTTAATAGGAGCTCTGTAATATCCTCATACTATGTGCTCTAAG
AGAGAGCTTGAAGTCTTGCCAAAATCTATTACTTGTAATGATGTAATGTTGTAATGTTTTTCTTCAGAAGTG
AGAAGTTATTTGTTAATGGAATAAGTTTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4977 NM_001036936|Arabidopsis thaliana catalytic (AT5G45030) mRNA, complete cds

ATTGATTCTACTGTTGCGGAGTCCTGTCTTGATCGGATGCCATTAAAATATAGACTTAAAGAGAACTCTGAGCC
GCTTGGTTTCAGTGTCAGCAAATTTCTCCTGAAGGTGAATCCTCTCAGGGGATGATCTCACCTTTTAAGCATG
CTGGCTTTCACATAGAAAATGGATATGAGGTGACTCCGAGCGTCGAACTCCAATTCATACCAAGATTAACCAG
CAACTCTCCACTGCATCAGAAGAACAAAGAAAACCAAGAGTTGAAAAATCTGTGCGCCCTGAGGACTGGCTAT
GATAGTGAGGTATCCGTTTCACTGCAGTTGGGTGAGCATGAGCCAGAAGCAAAGAGAAGGAAGCAGTTGGA
TTGTCTTCTAGTATCAAAGAGTCATCTTCATGAGTGAGAAATAAGATTATAGATTCAATTCGGTACTGAAAAT
TGAAATAAGTTTAACTGGTTATATCTCCGTATTGGGTTCGGATCATTTTGCCACCTATTTAGCTGTAAAACTG
GGACTGCCATATTATAAAGATTGAAGCCTCAAGGTGAGAGAGTTGCC

>trans_s_4978 NM_118743|Arabidopsis thaliana CK1 (CASEIN KINASE 1); ATP binding / kinase/
protein kinase/ protein serine/threonine kinase (CK1) mRNA, complete cds

AAGATATGCAAGCATGAATACCCATCTTGGCATTGAACAAAGCCGCCGGGATGATTTAGAATCACTTGGATAT
GTTCTTATGTATTTTTAAGGGGGAGTCTTCCTTGGCAGGGACTTAAAGCAGGAACGAAGAAACAAAAGTACG
AAAAGATTAGTGAAAAGAAGGTCTCCACTTCTATAGAGGCCCTTTGTCGTGGATATCCTACTGAATTTGCTTCA
TACTTCATTATTGTCGATCATTAAGGTTTGATGATAAGCCAGACTATGCTTATCTAAAAAGACTCTCCGTGAC
CTTTTCATTCGTGAAGGTTTTAGTCCGATTATGTGTTTGATTGGACCATTTTGAAGTATCAGCAATCCCAGATA
ACTGCCCCACCTACTCGTGCCATTGGCGGTGCTGGACCAAGTTCTGGAGTACCTATGGCTATAGCAAATGCTG

ATAGGCACACTGGTGGTGAGGAAGGTCGACCACCACCGAGTGGCTGGATAGCGGCAGACCCCTTGCGAAGG
AGAAACTCTGGTCCAGTTACAGGTGCTGCATAACAAAAACCTCCA

>trans_s_4979 AF525761|*Fagus sylvatica* chloroplast OA region, partial sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTCTTTATTTTTAATGAACTCACTTCATTGTTAACTCTCTACACTACTAATATT
TATATCAAACATAAGTTCTATTACAAGTCATATGGATACTATTATGAATCCATTCCCTGTTTTTTAGTTTTTGATT
TGTGATTTATTAGTTAATCCTTGAATTCGAAATAATACAGAAAAGAAAATAACAAAGAATCCACTTTTTTTGTT
ACTGTGCAGTTGATTTACATACGGATAGGGGCTTCGGACAAAGACAGTTTTCTGGCTGTTCCGTATACGTCTG
CTTTGGGTCAAATGAGCATTCTGAAGAAATCCAGTTAAGTTATTATACTATTACTATGGTCTATAAAAAAGAC
TATTCTTTCATTTAGTTTTATCCCTCTTGCTACGAACAAAATTCATTCTGAACCTTCATTTTTCAAAAAACTTCAAT
TGGTACACGCAAGAAATAGGCCAATTCGGCAGCCTTTTGCTCAATTTCTCGTGGGGTCAGATTCTGATCGGTA
CGCGTCAAGGGAATGGCCCCTTGGCCTCTTA

>trans_s_4980 NM_119741|*Arabidopsis thaliana* Rho-GTPase-activating protein-related
(AT4G35750) mRNA, complete cds

ATCATCAAATTTACCAAATCCCTTTCATCGATCCTTATCCATAAACTAATTTGTTTGCCTAAACCTTCCTCCCA
TTCCCATCTTCCTACCTTTTTCCACTTCTTCACTATGGCCGCTCTCCTTCACCCTCCTCCGCCGAGCAAACTA
CCTCGAAAAGCTCGACGTCTTCAAGATCAAAGGCAGAGATAAACAAGGCCGCCGATTCTCCGCATCACTGGA
AAATTCTTTCAGCTCGGGTTGTGAGTTTGGATGTGCTGAAAAAGCATCTGGAGGAGAAGATCTTCCCTAGGC
TTAAGAACAAGCGTTTTACGATCTTGTACTTCCATACCGGCGTTCAAAGGAGCCAAAATTTCCCGGAATCGCC
GCCCTTCGATCAATCTATGACGCGATTCCGGCCGCCGTCAAGGCTAATCTTGAAGCCGTGTATTCGTTACCC
AGATCTCCAGGCCCCGACTCTTCTCGCCACTCTCGGTGCGATTTTCTTCACTAGCGAGGTGTATGGAAAGGTGA
GGTACGTGAGTAGAATTGATCTGCTGTGGGAGCATGTA

>trans_s_4981 XM_002873779|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* pyruvate decarboxylase family
protein, mRNA

GTCTTGCATCAGACTATTTCCGAGTCTGAGGCGGAGAGATTATTGGCCGCAGCGGAGGAATTTGCACATCGC
GAAGTGATTCCCTAGAGTTCCGAAGTTCGAGATTGAGGAAGCTATCTCATTGTTGAAACATGCGGAACGGCCAC
TGATTGTGTTTGGTAAAGGGGCAGCCATTGCTCGTGCTGAGGGGCCGTTGAAGAAGCTTGTGGAGACTACTG
GAATTCATTTCTTCTACACCAATGGGTAAAGGATTATTGCCAGATACACATGAGCTTGCGGCTACCGCCGCT
AGGTCATTGGCGATTGGTAAGTGCGATGTTGCGCTTGTTGGTTGGGGCGAGGCTTAATTGGTTGTTGATTTTG
GCGAGCCGCCTAAATGGTCCAAGGACGTGAAGTTCATTTTGGTTGATATTTGCAAGGAGGAAGTTGAATTAA
GAAAGCCCCATTTGGGTTTGATTGGCGATGCAAAAGAGGTATTGGAATCCATAAACAAGGAGATCAAGGATG
ACCCATTTTGTCTTGAAAAATCTCACCCAAGGGTTGAAGCAATTTGCGA

>trans_s_4982 M88258|*Arabidopsis thaliana*

TATATTAAGTTGGAAGAATTTAGGTAAGACTTTCAAAGCGACTTTGACGGGAGAATCCAGGCTATTCAGGGA
AGAATTGCAGCAATTTCTCAATCCTAACGAAGTAGTTCTGGAGGAATCCAATGAACAACAACGATTACTTAGG
ATCAGTTTGCGAATTTGTGGCACTGTAGTCGAATCATTACCAATGGCGCGCTATGCGCCTAAGTGCGAAAAGA
CAGTGCAAGCTTTGTTATGCCGAAACCTGAATGTGAAGTTAGCAACACTTCTAAATGCCATTTCTTCCCGTCGC
ATCCGTCTTCAGGACGATCTAGTCACAGGTTTTCACTTCTCAGTGAGTGAAAGATTTGTCCCCGGGTGTACGTT
GAAAGCTTCTATAGTCGAACTCATTCGAGAGGGCTTGGTGGTCTTAAGAATGGTTCGGGTGGGGGGTTCTCTT
AAGAAGAAATCAGACAAATAGAATCTAATTCATTTATGCTAAGAGAAGAGCGAATCCAATACCAAGACGAA
TTGCCAATTCCTAAAGCTAAGACGGCAGCCGGTGAAACAAGTCAA

>trans_s_4983 AY127012|Arabidopsis thaliana At1g03250/F15K9_13 mRNA, complete cds

CGGATAACAAGGAAGAAGAAGGCCATGGTTGATGTCCCAAATATAACTCTGACCCATTTCCTTAAAATGTCCA
AAGAAGGAACATGGTAGTCTCAATTGATTAGATGAAGAACTTGATAGAACCTTATTATTGCATTGATGTTTG
TTACAATAATATTAAAGATTCAATGTTAGGGTGTAAATATTTAGACTGTAGGTTCGTACTGTACAGTTGTTGCTA
TCCTGCTACTGGACCGATGTGTATTGTAAATTATTCTCTCTTTCTCTTGGCACCAATCGTACCATTCATATCATT
GAACAAGGAAATGCCTTGCTTCCATTATTCAACACATGCCTTCCTCTTCTAAGTTTCATTGGATTGTTATGATGT
TGATCATAGTTATGTGAAATTGTGGGCAAATGATTGTCAATTTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAGGCCCTCAAAAA
ACAAAAAATAAAAAAACCTACCAAGGGGGGGGGGGGACCC

>trans_s_4984 NM_001067975|Oryza sativa Japonica Group Os08g0280100 (Os08g0280100)
mRNA, complete cds

ATGGAACGCTTGAGGTGAAAAATTCAACTCATGCTTTGTGGACTTGGCACCGGAATCAAGATGTGTACAAGG
AAGAAAACCATGGAGATCAAATATACATTGTTGACAACCTGATTGTGCCTTCGACGACCAAGTTGAATCTT
TCATTACTCCCTCGTTGGTGCTTCCACATCTACAGCACATAGCTACTAGGGACCTCTTTCAGGTTACTTGAA
GGTAGTCGACATGTTTTGATGTGCGATGGTTGAGCAACTAGCTTCAAGAAGTTTCAGACCGCATCCTGCTTATG
CACTCTTTTTGCTCCCTTCGAGTGTCCATTGAAGGACATTGTTGGTTCTTCCACTGAAGATAGTCTCTCTAAGA
AAGATACTATATATTTTTCTTATCCAAGAAAAGAGGTTGATGTTAGCTATTTATTATTGTATCTCTTTTAGCCG
ATACCTATTTTAACATCTGGTATTTAAAGGATTTGAAGTTATGACCCAACCATATCACAATAATTTTGATACGAA
TTCACATTACATTAACAAATAAGAGTACATTAATGAGTC

>trans_s_4985 BT011812|Arabidopsis thaliana At3g48180 mRNA sequence

ATCGTTTCATTTCCGATTCTCTAATTTCTCTTTCTCCATCAGATTATTCTTCATCTTCAATCCAAATCCATGGCT
GCAGGAAACAACAGCTCCTACGATTGGGCCGACCACTGGGACTACAACGACTCCGCCGACGTAGTCACAAAT
AACAAGAAGAAGATCAGCGGCAGCGGTGGAAATAGTTCCGCCAAGTATAAGCAGAAGGTCGGGGAAGGGCT
TGGAAGACCAAAGCTGTGGCCTCTAATGGCGTCAAAAAGGTTAAAGAAGGAACCTCCCTTGGTTTTCAATG
GATTAAAGATAAATATAATAAACTGCTCATAAGAAGTAGAATTGTTCAATCTTTTTAATTTCTCTCTGTAGATC
TCTAGCTGCTTTGTTTTGATTAATATCTTTGAGTTCTCTGTATCTTTTTTCTATTTGGTTATACAGATACACACA
CACATATATATATGTACACAATAGATTGTTATTCTTTTGTTAATATGATTTCATTTGATCTCTGTTTTCTCT
CGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4986 NM_001050216|Oryza sativa Japonica Group Os01g0640800 (Os01g0640800)
mRNA, complete cds

GTTTCGTAATGTTCTGGCTGAATCCGGGTTGACTGTTTTCTTGCGACTAAGTAGAGGTGATGACCAGATGGCT
GCATGTGGTCAGTTAGGCAAACCTGGTATTGTTCAAGCTCCTTTACTTCGTGTGCCAGATCGATTTCAAATGGC
AATGGAATTATGTCCCTAGTTCCTACATCAAGATTAAGAAACATTGGCATCACTCCATTGACGAGGCAAAAAT
AGTGTGCCGCCTTACGGGCATTTGTTGGAATGTATGCCTGTCTTTAGCTTTCTAGTCTTCTTGAAGGAGAAGCT
ATGTATTAGGCCCCCTTTCTTGGAGGCAAAGCTATGCATTAGCCCCAGATCGAGAAGTTCAACCCTCACG
TTTTCTAAATTTCTGTCAATCTTTCTGTTTTCTTTCAACTTATACCTTTTGCCAAATTTTGAATTCGTATTTA
GAACCAATTGTATGGAATAAGGCATTTGACAACTTGTTTAGAGTTATAGCTACCCACTGAAAGTTAAATGA
GTTGATAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4987 GU356640|Cucumis sativus sucrose transporter (SUT2) mRNA, complete cds

ACAGCTTCATCGTTCATCTTTCCATTCCATCCAATTTTTCTCCATTACAGCTTCCTCTCAACAACATGATTGG
ATCTCCATTGGAAGCTTCAGATCTGTGTACGGATCTTATGTAACCGGCCGTGTTTTGCCCTTCCTTTTCATTAG
CTCTACTCATGGCGGCCAACCCCAACTCCGTTTCCTTCAAGGTTCCCTACAGGAACCTCCACGATGCAGAAAGTG
GAGATGGTGGCTGTGCATGAACACCAGCTTCATGGGATCGATCTCAATTCTCCTTCTTCTGATGGATGTCCCAA
TGGAAGCCAACTGAACACAGTTTTTCTCTTCGCCCATCTTAGATCTAAGCCCAATAGTTTGACTATCTTAAT
TCTCAGTTGTACTATCGCTGCCGGTGTTCAATTTGGTTGGGCATTACAGCTTTCCTTCTAACTCCCTATATTCA
GACGCTTGGAATTGAGCATGCATTTTCTCCTTTATTTGGCTATGTGGTCCCATCACTGGGCTCGTGGTTCAAC
CATGTGTCGGTATATGGAGTGATAAGTGTTCTT

>trans_s_4988 NM_001052013|Oryza sativa Japonica Group Os01g0962400 (Os01g0962400)
mRNA, complete cds

GAACGAGGATCAACCTTCACCACCTTACAGAGCTCGAAAATGGCGGGTGCTGGTGGCGGAAAGGTCTCCTTC
AAAGTCACTCTCACCTCAGACCCCAAACTCCCTTTCAAAGTGTTAGTGTTCCAGAGGCCGCCCTTCACCGCT
GTCCTCAAATTTGCCGCTGAAGAATTTAAGGTGCCCCGCAACCAGCGCCATCATCACCATGATGGCGTTG
GAATAAATCCTCAACAAAGTGCAGGCAATGTCTTCTCAAGCATGGCTCTGAACTACGCCTGATTCCTCGTGAT
AGGGTTGGAGCTGCCTGATCTTTCGAATGTAAACAAATCAATCCCTTATCTACTCGCCTTGTTAACTGGGT
TAATTTGCAATCATCAAGCTGAGAGAATTTTATACGTGTTTATCACATTATTGTAAGTATTAGAACTATGTCT
GCTTAATTAATAAATGAGCTTCCTTATTTTCGGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4989 NM_001064958|Oryza sativa Japonica Group Os06g0691600 (Os06g0691600)
mRNA, complete cds

GAACAAATCAAATCCAATCCCCAATTTCCGTCCAGAAATGAAATCGAATTCACGGGCCGTCTCGTCGGAAAG
CGCCTACTCTGCGAAAGAATTGAGACAGATCTTTAACCAATGGATACGAACGAAGACGGAGGATTAGGATT
GTTTCGAGATCAAGAACGCATTGAAGAACTCGACGCTGAAATGCCGGTCCATCTTGCTTACAGTGCTCTCTGT
TACGCCGATCGAAACAGAGATGGAAAGCTTGGCGAGGAAGAGATCGATCAGTTCGTGAAGTACATGATGAG
CAAAGGTTATGTTGTCTGATTTTTATTTATTTCTCCGCCGCTCCACGACGGCTTGTTGATCATATCGTCGGTT
TCTATAAACTTGTCCAATAAATGGCGGCTGCTTGTTATGTATATTTTTGTTCTTATTTTACTTTGAACTCTCT
TGTCTATAATTGATTGACAATATATATCTCAATCAGTTGTATTATATTTGTATATATGTTCAATAATTTATTTGA
TAAATTTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4990 HM208348|Arabidopsis thaliana MOS1 mRNA, complete cds

AGCAGCAGCATTATCCACCTGCTAATAGAGACAGGCAAAGACAAAATCAGCAGTACGAGTACCAACCAGTTG
GGCCACACAATAATAAACCGAACATGGATAGACCTAAGGATACCACTCAACATTCAGGCTCAAGGTACGTGG
AGAGGGGGCCAACAAGGTCAGTCCAGAAGAGATGGTGGGAACCTTTTACAAGCAACAAGGAGGACCAGTTTGA
TAGATATCTGTCATTTTTAGCATAATTGAAGATTCCAAATACATTTGTTTATCTGACCCGTGCCACCTCGGTTT
ATACATAGCAGGTCGATCTTCTATGGATCAGGTTCTTGAGAAATATTACTTTTCCAGTTCGTGTTTTCTTTCCG
ATTTCTTTTGGCGAAGTCTAATATTTTCTAAAGCGTAACAGCTGATGGTGTGGAAGTGAATTGAGCAGGGGA
ATAGAACTAGGAACCAGATTTGACGGTGCAGGAGAAAAGTGTGAGTTTGGATGGAGGAAGGTGCTCGG
ACTTTGTTATTTGTAGGTTACTCTGATATCAAACAGTTTTATTTTG

>trans_s_4991 X07675|Soybean plastid DNA for rps12, rps7, 16S rRNA, tRNA-Val, NADH
dehydrogenase and ORF 143

TTCTCAGTCAGCATCACCTCAAGGGCCGCTCCAGTTCGCTGGAAACGGAGGGTATTCCACGACCGGTGGCTAC
AGTATGGAGGATGATGAAGATACTAAATCCAAAAGCTATGACTACTGGAAATCTCAGGCTCACACTGGCAAA
AGATGTATAAATATTTGAAGCATAAAATACAATACATTGGAATTTGTCAATTACTGAAGGATTGTCCACACAG
TACATAAAACAGAAGAGAAAAGAAGAAAATGAAGATCGATATCAAATATCAAATATCAAAAGCAGAGAGA
ATCTGAGAAGCTGTGAATTATTTTGCAGGATTAGTTTGATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAAGAATCTGAGTT
TTTTCTTTATATCCTTTTGATTTCTTTTTCTTCCTTCTCTTGGGGAATTTGAGATTATAGTTTCTCAAGATGTTGT
TTGTATTGAAAAAAAAAAAAAGTTATATATTTTCATCCCTTCATTTTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4992 GQ998274|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 ribosomal protein
S12 (rps12) gene, complete cds; chloroplast

TGGGTAGGTAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTTAATCATCCGGTTAGGATTGATCTAAACCA
ACTCATTATGTATACAATTCAACATGCCAACTATTAACAACCTATTAGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAAT
GTCACCAAATCGCCCGCCCTTCGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCC
CCAAAAACCAAACCTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGCTTAACCTCGGGATTGAAATCACTGCTTAT
ATACCTGGTATTGGCCATAATTTACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTAC
CCGGTGTGAGATATCACATTGTTGAGGAACCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTT
CTAGTGC GTTGTAGATTCTTATCCAAGACTTGTATCATTTGATGATGCCATGTGAATCGCTAGAAACATGTGAA
GTGTATGGCTAACCAACGGTGAAAGTTTCGTAAGGGAAC

>trans_s_4993 NM_203197|Arabidopsis thaliana TraB protein-related (AT5G52030) mRNA,
complete cds

TTCAACCTCTCATTTCATGAACGAGATACCTACCTTGCATGGTCTCTGAAGCGTAGCAAGGCGGTGAACAAGAG
CAAGAGGGTGGTCGGGGTGATCGGAAGAGGCCATATGAATGGTGTCAATTTACGCAATAACATCGGACCAAG
GAAACTTACGATTTTCGAGACCTTGCAGGTAAGAAAGCTGGAGAAGGTAATTCCAATGGCTTTGTTAGCAGTCT
CCTGAAAAGCTTGGTTAGAGACACTATAATTGGTGTATCTTGTGGGTTTTATATGAACAATTAACAACACTAC
ACATAATACCTTAGCAAGGTAGGTGTCATGGCAACTAATTACTTCTTCCACCAATTCATATCTTTCGAAAAA
GTAATTAGAAATTTATACACATTGATTATGTATAAAGATACTATTTGATCCCTGGATTTGTATATTTATCTATTTT
TTAATAAATATAAAAGAATGTATCATGGATATATAATCTTTTATATACTTTATCTCGATATAAACTATTGAATTG
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4994 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

CACTTTCATAAGCATCGGTATGGCACAGCCCTCATTTGACATCTCAGAGGGGCAAGCCGCAAAGACGGTGGG
GGGGTTGACGGGATTGGACCGTGTAGATATATGTCTTTTATCTGCCACATTGGGATTCACAACAAATGTGT
CTTTATTCCAACCACGCGAAAGCTCCATACAGAGGGTAGGCTGGTTCGCTTGAAGAGAATCTTTCCATGATC
AGACTTGACCATGTCGTGCATGACCAGGCTCCGTAAGATCCATTAGAATAGGTGATATATATGCCATAATACA
GATTATGTTTTATCTATTTCACTTACTTAATAGTATGAAAATGCATTCATTCCTCTGCATTGACTCGATTATAA
TACTATCGGAGTGAAACAAGGGATCTAAAGAAGAACATAGGCTAGACTCTATTAGTAACAAGTAAATCCTTTG
GATGTAGGGGAGCGACTATAAAAACCCCGAAAGATTTGCCGCAAGGGTTGAGACGACCCAGAAAGCACTT
GAACATTATCAACTTTGTAAGCCTACTTGGGTATTGAGCA

>trans_s_4995 FJ617520|Capsicum annuum BTB-POZ and MATH domain protein (BPM4) mRNA,
complete cds

CAGAAATGGAACCTCGGGTTTTTAAGGCTTTGCTGCATTTCAATTTATAGGGATACTCTTCCAGAAGATGATGAG
TTCTTGGAAGCAAGCTCGTCTTCAGTTTCCGTCCTTGCCTGATTCATTACCTGCGAAGCTGTTAGCTGCTGCTGA
TAAATATGATTTGCCAGACTAAGATTGATGTGTGAATCTGTACTCTGCAAGGACATATCTGTGAACTCTGTAT
CCCACATTCTGGCCCTTGCTGATCTCTATCACGCTGCTGATTTGAAGTCTGTTTGCCTAAATTTACCGCCGAAA
ATCTTGTTGCCGTAATGCAATCTGATGGGTTTGAGTTTCTCAAAGAAAAGTGGCCGTTGCTGCAGTCAGAGCTT
TTGAAGACAGTTGCCGGGTGTGAGGACGAGGAGCTTAGTGGAGGAGGCAAGAGTCGTAGCGTATGGGCTCA
GTTCTCTGACGGTGGGGACACAAATGACAGGAGTGAGAGGCAACAGACATGGGAAAATGGAGAAAGGAGT
CGAAGCCTGTGGGTGCAACATTCCGATGGTGGTGTACGTG

>trans_s_4996 tpg|BK000370.1|TPA_exp: *Oryza sativa* transposon Rim2-M90, complete sequence

AATCATTACTCCGTTTTTCTTCCTTTTCCCCAAACCCTAATCCCCTAATCTTCTTCAACCCCTTGTTTTCTCCATCTCT
CTTCATATACTCTCTTTTCCACTCCCAAAATTTCTTACCGGAGCAAAGAAAAATTAATGGAGGCGGAGACTGC
GCTGGCGGCGATTCTCGGAAGATTGGGGCGTCATTGCTATGCGGTTTTGTGTTTGGGAGTTCTTCTTCTCACG
GTGGCTGTAGTTCACTACGTTGGCGACGGGAGCCGACCGATCCACGCGAGCGGACCAAGCGCCGTCTTCGG
GCCTTGACGGCTCATCAATTCGCGGCGGAGATGGCGGCCGTGAGTTGCCTGCGGTGGTGAATTGAAGCGTC
GTATTAGGCGGAGTGTTTATGCAATAATTACTAATCTTGTGATGTTTTGTAAAAGGCTAATAAATAGTTTAAT
TAGTACTGATTCCTCATCGAGTAACTAAATGTAAATTACTTGCGTGTTTTGTGTAACTCCAATTTGAGATTTT
TGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4997 AB180898|*Brassica oleracea* S-7 SP11, SRK genes for S locus protein 11, S-locus
receptor kinase, complete cds

ATTCTCCATTCTTCAATTTCTTCTCACTGATCAGCCACATCCTTCAAATTCAAATGGCTTCTTCCCTCAAACCC
TACTTCCAATAGTGTTTGTGCTCTTTTGATCTTGTCTCTAAACTCTACCTACCTCGTCTGCTGTAGTTCATAA
CAGAGTTTCTGATTCTCTCACTAAATTTTTTACCGAAACCTCCTTCAAGTGACGGATCGTCATCAAGCTAATGG
TAGAAGGCGAACTCGACGAACCGTTGTGAGAGATCAAGCCCAAGCTCCGAGTCCATCGACTGCAAATCGGAG
TCAAACCTTGCAATTGGGTTTGGCTCTATCCTAGGTCTTTTTATTATTGTTACTCTATTTGTTTGGAGGAAATG
TTACCTTTATTACTTCTTTTTTAATGAAAAATTAGATTGTATTATTATTGTTATTGTTTATTTCATCGAGAAA
GTAATAGATATGTGTATTTATTTGATGAAAAGAAAATATTGGATTGTATAATATTATATATTATTTTAACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4998 NM_104354|*Arabidopsis thaliana* GDSL-motif lipase/hydrolase family protein
(AT1G54790) mRNA, complete cds

CAATTATTCACGACTGGGGTTTCAACAACCTATTATGGTTTGCTGTGGCTATGGAGGTCCACCTCTTAACCTACG
ACAGTCGAATCGTATGTGGACAAACGAAGATGTTGAATGGGACATTGGTCACGGCGAAAGGGTGTGATGAT
AGCTCAGAGTACATCAATTGTATGGAATTCATTACACTGAAGCTGCAAAATCAGTATGTGTCATCACAAATACTT
ACTGGGAAGTATTCTGATCCACCCTTCTCAGACAAAATGCCTTTCCTTCTCAAGCTCAAGTTCTAGTTCCTTTT
ATATTCATTACCCAATTGATAACTGATTTATATGTCTAAATGTTAGCATTATATATTTGGGATTTCAAACCTAAG
ATCTGACCAGGGGTACTCGATGAACAATGGATTATGTTTCGATGTTGAATCAAATAATCCATTATCTCAATTC
ATTTTATGGCTCCTATTTCAAGATTACAAACACATTACATAATGGGTATGGATAAATCAAACTACAAGTGTTT
TAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_4999 AJ313514|*Theobroma cacao* mRNA for carboxypeptidase type III (CP-III gene)

TGGACTGGATGAGGAATGCCGAAGTGGGTATACCTGCTCTACTCGAGGATGGGATCAAGATGCTTGTATATG
CTGGCGAATATGATCTGATCTGCAATTGGCTAGGCAATTCAAGATGGGTACATGCAATGCAATGGCCCGGTAA

GGAGGAGTTCGTGGCTTCTCCTAAGGTCCCCTTCTTGGTTGATGGGTCAGAAGCAGGATTGCTTAAAAGACAT
GGCCCCCTCAGTTTTCTCAAGGTTTCATGATGCGGGGCACATGGTCCCCATGGATCAGCCCAGAGCTGCATTAG
AGATGCTGAAGAGGTGGACTCGGGGCACACTCTATGAAGAATCATCTGATCCGCAAACCTTGGTCGCGGATA
TGTGATTGCGGCAAAACCATAACAGCAGTGTCTATAGTGAACATTGTTATCCCAAGTATGTAGATATCTCCGT
ATCTTTGGGATATGTTTAAATCTTATGTCCACGCAGTTTTAATCTTTATATGAAAACCTGAATAGCTTTTCGATCTT
TTATCTTTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5000 AJ428413| *Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

CAGTAGAGGCAAATTTTGGTTGGTTAATCCGATCAGTTCATAGATGGTCGGCAAGTATGATGGTCTTAATGAT
GATCCTGCACGTATTTGCGTGTATCTTACTGGTGGATTTAAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGGTTACAGGTG
TGGTTCTGGCTGTATTGACCGCATCCTTTGGTGTAACTGGTTATTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGG
GCAGTCAAAATTGTAACAGGTGTACCGGAAGCTATTCCAGTAATAGGGTCGCCTTTGGTAGAGTTATTACGCG
GAAGTGCTAGTGTGGGACAATCTACCTTGACTCGTTTTTATAGTTTACACACTTTTGTATTACCTCTTCTTACTG
CCGTATTTATGTTAATGCACTTCCTAATGATACGTAAGCAAGGCATTTCTGGTCCTTTATAGAGAATAGAAATC
ATAGATTTGTAATTAGTTATTTATGATTACTCAGGGGGGAAGAAGAGTATTCATTGCTGCATCATAGGTAACC
AAATTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTAAA

>trans_s_5001 AJ583669| *Lycopersicon esculentum* std1 gene for seven-transmembrane-domain protein 1, exons 1-5, and partial dss1 gene for deleted in split hand/splt foot protein 1

AAAATTCTTCAGCTGGCTCGTCTTCTTACTCATCTCCCCGACTCTTCCCTATTACCTAATTCGGCCAAGACTGTTA
AAATTTTTCATGGCGACTGAATCCAAGACTGCGACTGAGGAAGTTAAGATTGACCTCTTTGAAGATGATGATG
AGTTTGAAGAGTTTGAGATTAATGAAGAGTGGGAAATGAAAGAAGAAGGCAAAGAAATTACACAGCAGTGG
GAAGACGACTGGGATGATGACGATGTCAACGACGACTTCTCTCTGCAGCTTAGAAGAGAATTGGAGAGCAAT
ACCGAGAAGAAATGAGAAGACTTTTTTTTTTTTTTACTGTCTTGTATGTTTTCATCTTCTAAGATCTATGTTCAACC
CTAGGTCTTTTGACCCATTGTGATTTTACGCCGTCTTATATCCTTGTAATGGTGGTATTATGAACATACTTTA
GCAGCCTAAAACATCGTTTTACCTTTTCAGATCATATAATTGGAAATTTGTGAAACGTTTAGCTCTGAAGAAAA
CACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5002 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGTATGTTTGTCTGTAATGAATAATTGTAAATCCAAGTAACAATT
CATACATCTTTTTCACTTTATTTTAGGGAAAGATTATTGAGTCTCTTAAGTTAAATAAACTAGGCAGAAAATGCT
GATATGTATGTATTGTTATTATCTATTTTATCGTTTTATTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTAGATCTATCTAATTG
ATGGGTAAATCCCGAATATACATTTATTTATCATAATCAAATGTAATAAATCCTTTACAAAAATTTATTCAAATA
ATATTATAATATAATTTTAGGTAGTAAATTTCAATCAAGTAAATCTTTTAATTATTTCTTATGAGTCCTTGGT
ACTCGAAGAAGTGTTAACTCGTGAATCCATTCTATGAAGAAATTGAAAAATGGAGATTCTTAATTATTCGTAA
TTAATTATTTCTTAATTGATTTTATAGAAATTTCAAAAAATCTCTCTCTATCTAGGAAATATCTATATATAGAGAA
ATAAATATTGCACTCATA

>trans_s_5003 NM_129907| *Arabidopsis thaliana* 60S ribosomal protein L38 (RPL38A) (AT2G43460)
mRNA, complete cds

CTCGTATCCTCACCTCCCAACGCCGTTTCGTATCACATTTCTTCTTCCCTCACCACCCCTAAAAATGCCAAAGCAA
ATCCATGAGATCAAAGACTTTCTTCTCACTGCAAGAAGAAAGGATGCCCGCTCTGTCAAATCAAAGGAGCA
AAGATGTAGTCAAGTTTAAGGTTTCGCTGTTCCAAGTACCTTTACACGCTCTGCGTCTTTGACTCGGAGAAGGCT
GACAAATTGAAGCAGTCTCTCCACCAGGTTTGAGTGTGCAAGATCTTTGAAGAAGTAGTGAACGAATTTTGG

AGATTTATATGGAAAAACAAGGGCTGAAGGAAACGTTTGCCAGTTATTTTTCTTTCTTATTTTCAATCATCTGCT
GTGTTGAATGTTTCGATTTTTATAGGGACGGCTGTTCTTGTCACGAGTAGGAGTTGGACTGAACTTTTAGCGT
TTCTTAAATTTTATGAACCGTTCTCAGATTTTGAAGTGTGGAGATTGTCCATCATTGAATCACAACCTCTATCA
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5004 AY110825|Zea mays CL16923_1 mRNA sequence

AAGTCGGAATCAGATCGTCCGCTTCTTCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCGAAATCTTGTAAGATG
ACTCGAGGAAAGCAGAAGATCGAAGCTCAGAAACGAAATGCGGAGAAAAATCAGAAGCCCAAAGGCTCACA
GCTTGAGGCCAGAGCCGTTGCCCTTAAAGTCATCTGCCCCGATTTGCAAGGTACAACCTTGCAAATCAGAACCAG
TTGGGTGATCATTATGGCTCCAAACATCCAAAGGAAAAGCCACCATCAGAATCTGGTTGAATCTTCGGTTGCA
AGTTGAAGTATGAGTTGCTTTATTGAAGGCATTTCAAAGTTCTTCTGTTTCAGATCCATGAAAAATTTCTCTG
ATCGTCTTCAACTTTCTGTTCTTAAAATGTATTACTTGTAAGGGTAAAAAACGATTGGTCATTCTGTCACTTG
TAAATAAAATAGACACTAATATGCTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5005 AY103807|Zea mays PCO130571 mRNA sequence

TTCAAGGCGAGGGCCAATACAAATCTTTTTCTCACCAGGAACATAGTTGGGGCCCATGATTCTAACTTTTAA
CCAGTTGAAACTTTCCAGAGAACACACGTCCAAAGGCAAAGAACCTGCCCTTGTCAGATGCAGGAATCATCT
TCGATACATAAAGCATAAGAGGTCTTCAGGATCACAATTTCTAATGGCACTAGCGTAAGCATCATCTAGTGG
ACCTCTGTACAAATTCTCCACACGATACTTTTGGGCCTTGGCAGAAAAGCAAAGATGAAAGAGCCGCTGCCCT
CAAGAGAGCAGTACTTGCTGGTAGCCATGTTTGCATGACCCGCTTCATCAATGGTTTGGCCATCAGATCCTTCT
CATCAGACTTCATGACAACACCAAGCTTCTGCAACATGGGCCATAGCTTGTCTTCTGATCGTTCATGCAAGTT
GCAATGATCTGCTTGATAGTTTCGTAGCAGAACTGGACAAACCCACGCTTGCATGTTGGCGAGCCAGTGTCT
TGCTGGTCCACTCTGAGATACGGATCGACAGCATCT

>trans_s_5006 AY661558|Hordeum vulgare subsp. vulgare eIF4E gene locus, complete sequence

TCCCACAAAATTGGTTTCTTATCCCTCCTCTTCTCTCCGTCTCTCTGTATCAGAGATTGCGATCACCATACCCA
GAGATTCCAATCGATCTGCATAATTTCTCGACCATGGCTTCACAAGTTGTGTACGGACTACTTTTCTCTCCTTC
TCCTTCACTTGCATCATGCTCCTCCACTTGGTTCTCCATCCTGTTTTCTATTTCACTTCTGAAACCTAGTATCTTT
TTGAAGTTTCGACTACACAAGGTCGATCAATTTCAATCAATGGAAGTCGATTTCTAAGTAATAGAAGTTCTGAT
TCAAGGAAGATGTAGAAATCTGGTGGTTCGAGAAACGTTATGTTCTGTTCTTCTTCTTCTTCTCGGATCTTAC
GAGTGTGTTGTAGTTGATTGAATATTTTATTGTTTGTGTTGCAAAAGATGAAGTAGATTTGAAATATTTACACA
TTATATATATTCTTGTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5007 AL161494|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 6

ACAGATGCTTTAATGAAAATGCATATACAGCTGCATGTATTGCTGTAAATAGCCATTTTAACTTAACTTGAAC
AATCAGAAAGTTATCAATCGTCTAAAGACGATTAAGAAGAGGTACAAAGTAATCAAGGATATTCCTTGTAGAG
ATGGATTTTCGGTGAATCCGACTTCAAAGATGATTGAGTGTGACAGTGAAGACCTTTGGAAGAGATATGTGG
CAGCACACCCCGATGCGAGAGGAATCAGAGGGAAGCCGATAGAGATGTATGATGAACTAAACATTGTTTGTG
GCAATTATCAGGCCCCGAGTCAATGGGCGAAGATGAAGGACGGAAACCGTTCACTTCAAGTCAGGAATTTTG
AGGAAGAGTCTGCATCATTTCACTCCCCAAGCTCGGAAGATCTTAGTGAAACACATAATACAGAGTCATATAC
TGGACCGTCTGAATATGCAGAACTGCCAATGGTAGTCAAGACCCTCTACCAAACAACCCGACGAGACAACAA
CCTAAGAGACCACGGTCATCTGAGGCTCTCCAAATGCAA

>trans_s_5008 NM_001062866|Oryza sativa Japonica Group Os05g0564200 (Os05g0564200)
mRNA, complete cds

AGGAGAAATAGAAGTCCAGTTAGGGAAAGTAGTGCTGAAAGAAGGGCTAAGATTGAACAGTGGAACAGGG
ACAGGGAAAAGGCAGATAATGGTAATAATCATCAGGATGTCAAGGATGTTGGTGGAAGCAATGACCTAGTAC
AAAATGAAGATGAATTTGATCCTTCTAAGCAGTTCTAGAGAAAATGGTGGATGCGGGTGCTTGCCCGAGAAA
AATTTTCTGGTTTGGCTGTAACTGGAGGATTTGCAGGATTTGATGTCATGTTTCGTTGGAAACATGAAGGAA
GCTTCTCTCCACAATTCTGCAATGCTGAAAAATGTATGTCCTCGTTAGGTTGAATTTCCCATCTCGTAATGA
AACTAAGTTAAAGGATTTCTGAGACATAAGTAGATTTAATCTCGTTTTCTGTTTGGAAATTGTGTTGTATCTCCA
AGATTTTATTGACGTTTTTCAGAGAGATACTATTGAGAGCTGCCTACGATAATAGTTGAAGTTTCCTTTTGTTC
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5009 AY579888|Lycopersicon esculentum AML1 mRNA, complete cds

AATGAAGATGTTTTGCATCTGGTGGTAACAGAACATGCCCCATTCTGGACCTCATTATGCATGGGGTAACTC
CTACCGGCCCCAGCCTCCACCTCCAGGCGTTGTATGGCAAATTCTCCATCTTATATGAATGGAATTGCTGCTG
CCCATACCCCAACCCAGGTCCATGGAGTTCCAAGAGAAGCATCCCATTTGATGCACACAGTTATGCCATGAA
TAATCACCACGTAGGATCAGCACCAGCTGTTAATCCTTCTATTTGGGATAGACAACATGCTTATGCTGGGGAAT
TGTCAAAGGCCTCTGGTTTCCATTCAGGTTCCATAGGGAATATGAATTTGTCTAACAATTCACCACAGTCTATG
GATTTTTTCTCTCATATCTCCCTCAAGTTGGTGGAAATTCTGTAGAGCTTCCTATCCCTCAACGGAATGTAGGA
CTACAATCTCATCATCAGCGCGCATGGTTTTTCTGGACGGGGCCAAATTTCTTCAATGAAGAATTCATTTGA
CTTTTCAATGAACGTGGTAGAAGCCAAAAA

>trans_s_5010 AF190450|Avicennia marina enoyl-CoA-hydratase mRNA, complete cds

ACTTGAAGAAGGCATCACCAACAAGTCTCAAAATCTCATTGAGATCGATCAGAGAAGGTAGACTTCAAGGTGT
TGGTCAGTGTCTCATTCGTGAATATAGAATGGTTTGTCTATGTCATGCGGGGGGAAGTCAGCAAAGATTTCTGT
GAGGGTTGCCGAGCTATTCTGTTGGATAAGGATCGGAACCCAAAGTGGGAACCCTCCAGTCTGGGGCTTGTC
ACTGATGCTATGTCTGAGAGGTACTTTTCTAGGATTGAAGACGAAGAGTGGGAAGACCTACAGCTCCCTGCAA
GAGCCAATTGCCCCGCTCAGCCATTTCAAAGCTCTAGTTTCCCTGAGTTCGCTAATTCCTTGATAAATATATCT
TAGTTCTTGGCTAGTTGTTTAGGTTTATTCGTGGTGGATGGGTAAGTGTGAGAAATAAGCCTTCCCACTCTTAT
TCTGCAAGCACCGAAAATATGTAAATAAAGTATTTATGTTATTTATGAGGAATCGGTAATAGATTTATTTTAT
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5011 AY109305|Zea mays PCO081938 mRNA sequence

TTATATGCTATATCTACTTCACTCGAGTTGTAGTTTATGCACTTGAGACGATTACTTCGTATCGGTATCTATGGA
CGAGTGTCGTGGCTGGGGAATTGGCAACACTTGCAATTCTATGTATTTACTGGTTATAAGTTCAAGCCTGAGGC
TCATAATCCTTATTTTGTAGTTGATGATGAGGAGGAAGAAGCAGCTGCTGAAGCATTGAAGCTTGAAGATGAA
TTTGAATTATAATGAAGAAGAAGAGGGTGATATGCTTTGATGCAATGTTGTTCTTCTGATTTGTGAGTTTTA
AGGTAGAAAAAAAAAAATCTCATTCTCAGTTTAAAGTATATGTTGTTTTTTTGTCTAATCTGGGAATTACAGG
CATGTTATGTTGTTTCTTGATATATGTTTTCTTTTTTGTATTTTCACTCTCTTTAAGTCTGTAGAATAACATAT
ATCAATGTCTGTGATTTTGGATATTGTGTACACATACTGACCATCAAGCATAGTTTGTATCTTTCATGAGTAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5012 AY072331|Arabidopsis thaliana aspartate--tRNA ligase - like protein (At4g31180)
mRNA, complete cds

CGGGCCCCCCCCGTGGGGGGGGGGGATACATAAATCTTCGGGGGGGGGGGGGGGCCCTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTCTTCTTTTTTGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTAAAAACAAACAATTGTTATTAGTAAACCATAATAATCAGTCGATCAGAAATTTGTTTGT
TTTCCTTCCTATGAAGGGAGAAAAGAAAGAAAGGAAGCAACAAAATGTATATTTCAAAAACCGGAATTGCAGT
GTTACTTGTGAAATGCCTAAGGAGCAATCCTCTGTGGATCACGAGGGAACAACGATGTTTTGCGAATGTTATT
CAAACCGCAAAACAGCATCACACGCGCTCCAAACCTACTCCAAATCCACCATGCGGAGGGGCACCATATCTG
AATGAATCAATATATGTTTCTATTGTTTTACGTCAATGCCACATGCTTGTGCGCGTTCAGCTAGAAATCTGGC
ACATGCACACGCTGAGCCCCAGA

>trans_s_5013 NM_116054|Arabidopsis thaliana ATHB-12 (ARABIDOPSIS THALIANA HOMEBOX
12); transcription activator/ transcription factor (ATHB-12) mRNA, complete cds

CATTCACTCTCGTAACACCTGGTTTAGGAATAAAGCCTTGTGGTAACCAAATGAATCTTAAGCAGCATGCTAA
ACGAAGATGCTGAATATTCTCCCAAGCATCCATGGCAGAGGCTTTGCCATGAGAAAGAAGAGCATGAACA
GAAGAAGGTTTAGCGAAGAACAATCAAATCACTCGAGTCTATTTTCGAGTCTGAGTCTAGGCTTGAGCCGAG
AAAGAAGTTGCAGCTGGCGGGAGAGCTGGGTTTGCATCCACGCCAGGTTGCAATATGGTTTCAAAACAAGAG
AGCTAGATGGAAGTCAAAGCAACTTGAACGAGACTACAGTGTTCACGAGCTAATTACAATACTCTAGCTTCC
CGATTTGAAGCTCTTAAGAAGGAAAAACAAGCTTTGAGTATGCAGTTGCAGAAGCTAAATAATCTGATACAGC
GGTCCATGGAGGAAACTGAGAGCTGCAGGGGAGTTCTCTCCGTAGAAACCATTGATGGCACATCTGAAAATG
ACAACAGAACTAAGTACGAGTCCACCTACCCCAACCACA

>trans_s_5014 NM_001067367|Oryza sativa Japonica Group Os08g0112600 (Os08g0112600)
mRNA, complete cds

AGAAGCAGTTGGCATCTTCAGCTCCATGGCGGGGGGAGGAGGAAGTGGATGAGTTCGCCGAAGCAAAGCTT
AAAGTGACTAAGAATCCTGGCGAGACTTCGTAATGCACGTTCTCGGAAGAAGAGCGTCAAGTCCAAGAGC
ACAAAAGAAGAGGATGATTCCCTTGAGATTGACCTGAACCTTCGCTACAGTTTCCAACGCAATTACCAGTTTCT
TCAACGAGTATTTAGCATTGACACGATTGTCAAACCTCTCCACCAGCCATGGCTTACAATGTCTCCCGGAATT
TGAATTTCTTCACTCGAATTTTACACAGTTCTTCGACCCTGAAGGTATTGCAAATGCTCAGAAATCACTTGGAC
TGGGGCAGGAAGAGAAAGCTCGCCGTGTTGTTAATTGGAGAAGGGATATGGCTGGAAGTTTGATGAATTTT
TTAATCAAGTGTATTTGGATTCAAACATTGTGAAGAGTTGTAAATGGGATGCTGCATTATGCATAAATTTTGT
TCAACTTCAAGTTTAATTACATCAGTTGGGTTGTTG

>trans_s_5015 AB102686|Silene latifolia SIH4 mRNA for histone H4, complete cds

AACTCTCAACGTCAATTTAGATCCCTTCCATACGTCTCTAATATACGTTCTCTAATCTCTACATCAGGCTTCGAC
AATGTCAGGACGTGGAAGAGGAGGTAAAGGGTTGGGGAAAGGAGGAGCAAAGCGTCATAGGAAGGTTTTG
AGGGATAACATTCAAGGAATTACGAAGCCGGCTATTCGCCGACTGGCTCGTAGAGGTGGAGTTAAGCGAATT
AGTGGTTTGATCTATGAAGAACTAGAGGTGTTTTGAAGATCTTCCTCGAGAATGTGATTCGTGATGCTGTGA
CTTACACAGAGCACGCTAGGAGGAAGACGGTGACCGCCATGGATGTGGTTTATGCTCTGAAAAGGCAGGGA
AGGACCTTGATGGATTGCGTGGTTAGGTTTTGATCGATTGATTGGATCTTTGCTTTAGATCTGTCATCTCTT
TACTTGAAGTGTTTAGTTTTAGGATTTTATGTAACCTTTACTCTCTTTTGTTAGAAATATTAAAGCTGTTTTGATT
GTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5016 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GACTGGCGTTAACGTCCTTATCCAAAGTCCCTCCCCATTTGGTTATGGGGAAAGTGCAAGTCCTTCGTTTAG
TACGAGATCGCTGAACACCTCGCGGTGCTTACACCTCTCGCCTATCGAAGTGATGTTCAAAAACCTCGTCCGA

GAACTTGTATAGAGAAGGATTTCCCGCGGCGCAGCGGTTCTTCATACCAACTTAGCTGCCCCGGCGCTGCTAT
TGGCATAACAACCGGGTGTGTGCAGACCAATTTGGTCCAGTCCTCTCGTACTAGGGTTGGCTCCTCGCAGTTC
TCCCTTTCACACCAACGGTAGATAGGAACCGAACTGTCTCAGACGTTCTAAACCCAACTCACGTACCACTTTC
ATCGGCGAACAACCGAACCCCTTGGGACCTTCTTCAACCCAGGATGTGATGAGTCGACATCGAGGTGCCAAAC
GACTCCGTCAATAAGAGCTCTTGGGAGTCATCAGCCTGTTATCCCCGGCGTACCTTTGATCCGTTGAGCGAGA
GCCCTTCCACACGGAACTCCCCGGATCACTATGG

>trans_s_5017 DQ460096|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP fragment HN_BC2M32-212 sequence

AACTGGACTTTTATACATCAATTCGTGTTGGAAGTGAAGATCTGCAGAAGAAGAATAATGGCGCTGATGAG
AGGAGAACCCCTGCTGAGGAAGCTCGCCGCGCTCGCTCAGTACGTCGTTCTTCCGGGAGCCATGGCCGCCGC
TCTCATTTACTCTCCTCCCGATTACATCTACTCCAAGAAAGACGATAAGTCTTCCAAATAGGACTCTTCCCCTTC
TTTACCGAACGGACCACCTGATCATGTAGGCTTGCATCTGCAGTGTGCGTATTTCTTTATGTTGATAATGGTG
TGTACTGGACTTGTGTCATGTCTCAATAACTAGTCATTTGTCTTACTTTTGTGGCTTCGCCTTGGGAGAAATAA
TAATCATTTGTTTCCTGAAGGATAAGCAAGACGGGAAGTATAGATTTTTTTTTTCCCTCTCTTTTCTCTTTAT
AAATTTTGAAGAAATTCTATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAC
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5018 NM_001070353|Oryza sativa Japonica Group Os09g0542000 (Os09g0542000)
mRNA, partial cds

TCGCTATGGATCGGTACCACAGAGTTGAGAAGCCAAGGGCTGAAACTCCAATTGACGAGAATGAAATTCGGA
TTACTAGCCAAGGACGGATGCGTAACTATATCACTTATGCCATGACCCTACTTCAGGAAAAAGGTTCTAATGA
AATTGTTTTCAAAGCAATGGGAAGGGCTATAACAAGACTGTGACAATAGTGGAATTAATCAAGAGGCGAAT
TGTAGGTCTTCATCAGAACACGTCAATTGGCTCCACGGACATCACTGATACGTAGGAGCCCTTGGAGGAAGGC
CTTCTTCCATTGGAACAACAAGGCATGTCTCGATGATTGTGATAACCCTTTCGAAGAAGGAATTGAATAAATC
CTCTGTGGGGTATCAGCCTCCACTTCCTGCAGAGCTGGTGAAAACATTTGTAGAGTATGACTACGAGGGAGAA
GGCTCACCTCATGATCAGGGTCCAGGACGAGGTAGAGGACGTGGCCGTAATGGCAGAGGAAGGTCTAGGGG
TAGAGGACCCCCGGGTAATGGCTTTGTGGCTAACTTA

>trans_s_5019 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GAGACAGTGCCCAGATCGTTACGCCTTTCGTGCGGGTCGGAACCTACCATCTCTGAACAAGGTTCTCGCACCA
TGCCAAATGTGTCCGAAGAAGAAGAGCAAAGCAAAGGAAGCATGCCAAAAGTAAACCAACCCCTTGGACTG
CTACGAAAAACCCCATCGGATTTCAAAGTAGCACGATCTAATTCAAAAATTTACCCAATTGAGCACGTCTAGC
ATATTTTTTTCAGTAGCAGGATCACTATAACTGACTCCATTGAGTTCACCGCCATAGAAGTCAACAGTTACAC
CGACCTGTTCAACACTATACTTCGATTCTGCTCTTCGAAAAGGAACATCGGCTCTAACAATTCCGTCTCCGTCTA
CCAAAACAACCGGAAATGTTTCAAAAAGGTGCGCATACGGCGTACAAAAAGTTCGCGCCCTTCTTTATCTCT
AAAAACAGGGTGTCTAACCAACCAACAGCTATTCCATCCCCGTTGTCCATGGAACCCGCTCTGAATAATCCAC
CTTTTGCGGGATTATTCTGCATGACCTTTT

>trans_s_5020 AL161518|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 30

ATGGAGAATCAGAGCTCCTGTTTGTCTATGAGAAGCTCAACGGAATGGCCACTTGGGTGCGTACCAGCGTC
GCCTCCGCCTTTTTTCGCTCTCTTGAGCGATGTTCTTGATCAATCTCTCCACCTCCGATGACCACGAAGATCCC
GAAGAGGCTCATGATCGCCCTCTCATGTACTGCACCTCCACTTCTTCTCCGTCGTCATTTCGCAGCTTCGAGCCC
CTTCTCTCCGGTCAATGATGTCGCAATCTCCCCGTTTGACCGCCTCTCTCTCTCTCTGATCTGAGGTCCT
TTTCAAATTAGGTTTTCTCAGATTTTTTGCGGGATCGGGTGCTTTTATTTCTTTTCTTTGTTGATGCTGTTCT

TTTTCTATCCCCTTCCTTGCTTTGGGATTGAGGATTCGTGTTCGATCTGTTTTCTTCGTTTGTTGATATCTA
TCCTTCTTTTCTGTGAATTACAAATTGAATGTTATAATAATAATTAACCGGAAACAAATTGTGTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5021 AB116237|Cucurbita pepo CPX mRNA for cycloartenol synthase, complete cds

TACGTCAGCAGCAGTTCAAGCACTTGCAGCGTTCGGGAAATTATATCCGGGTCATAGAAGCAATGAAATTGGT
AATTGTATTGCTAAAGCTGCTGACTTCATTGAAAGCATACAAGCAACTGATGGATCTTGGTATGGATCCTGGG
GAGTCTGCTTCACATATGGTGGTTGGTTCGGGATAAAGGGTCTGGTTGCTGCTGGAAGGAGATACGAAAACA
GTTCTAGTCTTCGTAAAGCTTGTGACTATCTGTTGTCTAAGGAACTTCCTGCTGGCGGCTGGGGAGAAAGTTA
TCTTTCCTGCCAAGATAAGGTGTACACAAATATCAAAGACGATAGACCACATCTTGTCAATACTGCTTGGGCTA
TGTTATCCCTTATCGATGCTGGGCAGGCTGAAGGAGATCCAACACCATTACACCGTGCAGCAAGGATACTAAT
TAATTCTCAAATGGAAGATGGAGATTTTCTNCAGAGGATATCATGGGAGTTTTTAACAAGAACTGCATGAAT
AGTTATTCAGCTTACCGTAACATTTTCCCTATAT

>trans_s_5022 X80470|T.durum mitochondria atpA and atp9 mRNA

AACCCAATGCTTTGGAATATTCCATTCTTGTAGCAGCCACCGCTTCGGATCCTGCTCCTTCAATTTCTGGCCC
CATATTCTGGGTGTGCCATGGGGGAATACTTCCGCGATAATGGAATGCACGCATTAATAATCTATGATGATCT
TAGTAAACAGGCGGTGGCATATCGACAAATGTCATTATTGTTACGCCGACCACCAGGCCGTGAGGCTTTCCCC
GGCGATGTTTTCTATTTACATTCCCGTCTCTTAGAAAGAGCTGCTAAACGATCGGACCAGACAGGTGCAGGTA
GCTTGACCGCCTTACCCGTCATTGAAACACAAGCTGGAGACGTATCGGCCTATATCCCACCAATGTGATCTCT
ATTACTGATGGACAAATCTGTTTGAAACTGAGCTCTTTATCGCGGATAATCTGGACGATAATTGCAGCCGA
ATAGGCAGTCAGCACAGCCAGACGGGCTCAGTTGAAAGCTATGAAACAAGTCTGCGGTAGTTTAAACTTG
GGCCAATGTGGCGCTATAGGTGATAATAAGGT

>trans_s_5023 BT029337|Arabidopsis thaliana At3g01960 mRNA, complete cds

AAACATAACACACATTCAAAAACAAAACCTTAACCATAGTGAATCATCATCCAAAGAAAAATAATGGATTCAA
GATGCAGAGCAAGAGGTCTTGTGAAAGGCATGGTTGGTCTCTCCATGGGGAAGCTATGACTGGCAGCAGAA
AGATGGCGCCCAACACGTCGAATGCTTCGCTATGCTCGAGTCATATTTCTGTTTACAGTTCATCATCAAGAAAGG
GTGATGATGGCTCCATCGAATCGTCGAGTACTTGTTTCATGATCAAGCCATGAATAATGTTACGAAGCGACCT
TGTGGAACCTTTATGGTGTGGCGTGGATGAGCATATCGATCGGAAGGCCGCTTTGTACATATCATCGGTGCA
AGAACGCTTTAACTTGAGGGTTTAATAAATTGATATATAAGGCAAAATAGATCAACAATGATGTTTCCATCGT
CTTTTTTTAGTGAAATACAATAATTTTTTAAAGTTACTTGTGTTCTTTGGTACAATTGAGTTGTAATTGGGTTT
TTTTTTTTAGTTAAAAAAGTGATTGCTTTA

>trans_s_5024 NM_110977|Arabidopsis thaliana MTO1 (METHIONINE OVERACCUMULATION 1);
cystathionine gamma-synthase (MTO1) mRNA, complete cds

AACCAGAAGGCACTTGCACTTGGGGCTGACCTAATTCTTCACTCCGCAACCAAGTATATTGGGGGCCACAATG
ATGTCCTTGCTGGTTGTATAAGTGGTCTCTGAACTAGTTTCAGAGATTGGAATCTTCATCATGTGATAGGT
GGTGCTTTAAACCCAAATGCCACTTACTTAATCATACGAGGCATGAAGACAATGCATCTTCGTGTTTCAGCAGCA
AAATTCATCAGGTCTTAAGATGGCGAGGCTTTTAGAGGCTCATCTAAGATCAAATGTGTTTACTACCTGGAC
TTCCAAGTCATCCTGAACATAGTCTTGCCAAAAGGCAGATGACTGGTTTCGGGGGTGTAGTTAGTTTCGAGGT
TGATGGCGATTTAACAACCACCGCAAAATTCATTGACTCATTAAAAATTCCATACATTGCTCCATCATTTGGTG
GGTGTGAGAGTATCATAGACCAGCCAGCAATAATGTCATATTGGGATCTTAACCAAACAGAGAGGCTCAAGT
ATGGAATAAAAGACAATCTGGTGCGCTTC

>trans_s_5025 NM_123697|Arabidopsis thaliana COP1-interacting protein-related (AT5G43310)
mRNA, complete cds

TTTTCTTTCCACTGTTCTTACTTGGGAAAGGTGATAGCAGGGAAAATGCACGAGAGGACTTTTGAGTTTTGCTA
GCAGTGGGGGTTTTCGTCTTGAGATATCAGATTTTTTCAGCGTAGGAACTTCATCGTGAGAAGTGGTATTAGTCC
CAACGTCATTGGCTTCAGAATCATTGTACTGATATTATCTGATTCATCATTATGCTCGTCTGTGGTTGGGCTTT
GATTCTTTCTTCCAACTTCAGTAGCAGTCTAAGTCCCTTTGATGATTTTTTTACCTCAGGCTTCTCCAGTGCTTC
AGGAATCTTTCCAATTGTGCATCTCCATAATCAGGAACATAAGCTTTTGTTGTTCCAGAGCCTTTTGCTGCACT
CCCCAAATCTGATGGGATTGCCTTTCCGTACTCTGAAACGCGTGTGCAAGGATCTTCAAAAAGAAGAAACACGA
GCGTGTGGAGCTTTGTATGATTTTTTCAGTCGTAAGGGATGAAAACCTTTGTGCATCCTGATCTGATGCACC
ATCCGCTGTCACCTCATTAGA

>trans_s_5026 AY968423|Xerosicyos danguyi 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATCAGGCCATACGCGACAGGGTATCCATGACAACTGTCAGGCTGACGAGTTTTCTTTGCTTGAAATTGTCGGG
AGGGAAGCGGATGGGGGCCGGCGATGTGCCCCAGTCGGATGTGGGTGTAAACCCATTTTGAAAAATTGTTT
GAGAACTTTTGAGAGAGAAAGGGTATAGAAATAAATTGGGTTTGAGGGAAAAGGGAATTTGGGTTCATAT
GTGAGAGAGAGGGAAAGAGGCGAAAGACCGTGCCAAGCAGATGAAGAAAGCGATGCCAAAGATAAAGATG
AGCCGCACTCGTTAAGGATTGATTTTTTCCAATGCATTCAACCATGAGTCGCAAAGCAAACCTTGCTCTTCTTC
ATCTGGTTTTCTAATGTCGTTTAAGAGCTCAGCAAGGGTTCCTGGTTTCATCGCAAATTTTGACGATCAGGGTA
GTGGACCGTGTACTTTTAGATTGCATTACACTAGCTCGTCATCCCATAATAACAGTACTATAGAACTAGCTTTT
GTTTTTTTCGCTAAATTAATCCCTTTTTTT

>trans_s_5027 AY104136|Zea mays PCO095184 mRNA sequence

TCTTTAGGGTTTTCGTTGTCAATCTCCGCAGCTCTTATCTCTCAGCGATGGCGAAGAACAGGAATAAGAAGAA
GCGAGGTGGGGCTGTTTCTATGGACGTAACGGAAATTCGGTTCACGAGCTCCCTCAAGCGATGGACGTGTCT
GCGTCTACAGTTCATAAACCAGCTTCTGGCGCTCTCGATTAAAGTTGAAGAAGGGAAGGCCAATGAAGCGAT
CAAAGAATGTTAGGAAAACAAAAGCCATCGCAAAGGCCATTTCTAAGAGCGAGCAATCAATGGAGAAAATTT
TAAAAAATCAAAGCAAACCTACCAGAATACAATCTGCAAAAACATTGTATGAATGATAGAATCACTTTATAGA
AAATTTTCCGTGAAAATTGTAAAATTTATTTATTTTTGTTCTCCTCGTAAGTTTTTATTATACTTTCCCCACTCACC
ATTTAGTTTTTAATTGTATCAATCTAATCTGGCATTATTTATTTTAGAGAGTGGATTGTCTATTTTTATGTCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5028 NM_001188399|Oryza sativa Japonica Group Os07g0670100 (Os07g0670100)
mRNA, complete cds

AACCCAAAAAGCTTGGGGGTTTTCGTAGCTTCGTAGCGTTGCTTTCATGGCGAGCTTCGTTTCTTTGAGCTTCTC
CGTTCCACAGCTCACTCTCAAGGAAATCCCACCATGGAAATTGGCTAAAGCTACGGTAGTTTCAAGGCGAGCT
GGAACAGCTTTGAAGCTTGCTACCCTGTTATTCAAAGAAATCCATATCTATGAATTGGGAAAACCTTCGATC
TGACGGTTAACTTCAAGACCTTTTTGGGGCATAGTTTCTTCTAGTTCCCGGAATATGGTATTATTAAGTGGCTA
CTGGGTAGGACCTGATGTTGATGACGGATGGGGATATATAGAAGCTTTATCGATCGGATTACTTAACAATTC
AGACTTTAAATTTCAATTCACGATTTGTTTCTACTTACTATGTCTGATCTTAGTTGAATCATTGTATGCATTAGTC
CATATCACTTGTTTTCATCCAAGTGCCTGACACTACCTCCTGTTTCGTGAAATTTTTATCTTGTTTGACCTGCGAA
GATAGGTAAGTAACTTGATGC

>trans_s_5029 EF051701|Aegilops tauschii high molecular weight glutenin subunit (1Dx1.1t) gene,
complete cds

CTTGGAGTGCACGCCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCAAGCACGCCCATCCCGCTCTCACTCCTTGCCCGA
CGGTCGGATGTGGCACTCCGGCCGAACCCCTTCGTCCACCAAGCACAAAGCAATCGCAAGTTATCTCGTCTCCT
CACGAACAAGCCCGCTTGGAGTGCACGCCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCGCGCAAGCCCATCCGAGCA
TCAACTCGACACCCGCTCTCACTCCCTGCCCACGAGCAAGCCCATCGTTATGGCCAAACCCCTCCGCCAAGCA
CGAAGCAATCGCCAAGACAAGCACACTTGGAGTGCACGCCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCAAGCACGC
CCATCCCGCTCTCACTCCTTGCCCGACGGTCGGATGTGGCACTCCGGCCGAACCCCTTCGTCCACCAAGCACAAA
GCAATCGCAAGTTATCTCGTCTCCTCACGAACAAGCCCGCTTGGAGTGCACGCCCACACCGAGGTGCAAGCAT
TGTCCAATGGGCCCATCCGAGCATCAAC

>trans_s_5030 EU017282|Trachelium caeruleum photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,
partial cds; chloroplast

CTTCAGAATCTCCCTGTCGAATGGCCTGTTCTCCCCGGTAATGACAGATCACAGCCATATTATTAAGCTTGT
GGTAAGAACGGGTTTTCGTTCTTACGGGCTTTTTATTATAAGGTTTTAGGGTGTATGTTCTCCGTTCTTGTGTG
GATAAGACCTATGTTATAGAGTATATAACTTCGATCATAGGGATCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAAT
TCTGTAGAGCTTCCGCATAATTTCTTCGGATTGAGCCGACATCCCAAGAGACATTAAGGTGGGCATTGAAAA
ATCCCCGGAAGTTGTCGGAATTATTCGTAATAAGATATTGGCTACAATTGAAAAGGTCTTATCGATAAAATTTCT
CATTTATCCCACCAGATCTAGGCATCGGTAACAACCCCATTTCTATAATTTCTTTAATGCAAGAGATGTCTCCCC
GTCGAAACACCCACCCCTTCCGGTACGCTGCATCCCGCCAGCGGGAACGGAGGTGATCCGGGCTGTTTCCCTCT
CGACGATGAAGCTTATCCCCCAT

>trans_s_5031 AB252217|Arabidopsis thaliana PDV2 gene for plastid division protein PDV2,
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCAAAACTAATATATTTTCATATTATATGTATTTTACGCGACA
AATGTGTTTAGCTTTACACACTGAAGAATCGAGCTTCTCTAGAGATGGAATTTACGTTTTAATATGGAAGAAAA
AGATGACGAAGAATTAACCACATCCATAGTTTACATCAGGTTTTGCCACAGCAGAAGAAAATGGAACCTTCGAC
TCTCTCTTTCACCAAACACCGAACCTCCCCGTCTTCAACGACCAAGATTTTTCTGGCGGGCATTGAGTTCTCGG
TCTCTCTTCTCAGTCGATCGTTGTTGTATGCACTGGATTTCTTCAAACGAGAAGCTTTCTTGCTACAATACG
TGGCCCATAAACCAGACATGCTCAATATAGACACGACACCAACAATGGTAAACACTGCCTTGGCTGCTGCAGCT
ATGAGTGAACCTAATCCATTCCTTGTGTTTTTCGTGCTCGCTTCTTGCTGGTACTTAGTGACTCGCTTGACTCT
CTTTGGCATCATTT

>trans_s_5032 FJ231526|Melaleuca quinquenervia chlorophyll a apoprotein A1 (psaA) mRNA,
partial cds

GTACGTCTCTGAGGCATCCTACACTCAATTGCTCAGGTCCAGAGTGGGGACTCCCAAGGACTCTTAGAATCCA
TGTTGAATCACCATTTAGCGGGTCTCCTAGGACTTGGGTCTCTTCTTGGGCGGGCCATCAAGTCCACGTATCT
TTACCGATTAACCAATTTCTAAATGCTGGAGTAGATCCTAAAGAGATTCCAATTCCTCATGAATTTATCTTGAAT
CGGGATCTTTTGGCGCAACTTTATCCTAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCCATTTTTCACTTTGAATTGGTCAAA
ATATGCGGAATTTCTACTTTTCGCGGAGGGTTAGATCCAGTAACCGGGGGTCTATGGTTAACCGATATTGCA
CACCATCATTTAGCTATTGCAATTTCTTTCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACCAACTGGGGCATTGGTCA
TGGTATAAAAAAGAGGGGAGCTCTTGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATT
AAGCCATCGTACACATTCATACT

>trans_s_5033 BT011288|Arabidopsis thaliana At4g09890 gene, complete cds

TAGTGAGAACATTAATTTGTCGAAGAAATTAAGGCCAAGTTCTAGGCTATGGAGAAGAGCAAATCATTCCCC
AAGTACTCATCCTCAACCTCAGGTGAGTTCGGTTTCCAAACTCGATCAAACCTTTACAATTTCAACGGCCCCGAC
TGGAAAAGCAACCGGGTTCTCAACCTCGGCCGATCCCCGAGCTCCAAAGGAAGAGAAGGATTGCATCTTATAA
TGTTTTCAACATGGAAAACAAAGTTAAGTCTAGTGTAAGAAGAACAGCTTCAAGTGGATCAAACTAAGTTTAGT
GACATTCGCTATGGTTTGAGTTTCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTGTTTGATCATTTGTGTAAACAAG
TTTGGCATTGATCTGTCTTTGAAGACTTGGAACCAAATTAAGATATAATTAAAGAGTTTGAAGGTGTGTGT
GTTTGGCTGTGGCTTTGTTTTGTTCTCCATGCAATATATAAGCCTTTTCTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5034 GU397111|*Begonia robusta* voucher Glasgow Botanic Garden 00804200 tRNA-Lys
(trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

TCAGTGTGCAATAGTAATTCAACCTAGTACGAGAGGAACCGTTGATAAGCTGGCAGAGCAGTTATGAGGTA
GAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATAAAGAGTTTTTTTCCAAATCAAAGAGCGATTGGGTTG
AAAAAAGAAAGGATTTCTAACCATCTTTTTATCCTAAATAGAAACCAATTAGATGACAAAAGAAAAGAGAG
GATAGAGAGTCCGTTGATAAGTCTTACCTATTTACGAGGTATCTATTATTCTTTTATTTTACTGTAATACCTT
GTTTTGACTGTATCGCACTATGTATCATTTGATAACCCAATAAATCCCATTATCGTATCCCCAGTTCAAATCAA
TTTTAAATGGAGGAATTTAAAGGATATTTAGAACTTGAGAAATCTCGGCAACGTGACTTCCTATACCCACTTAT
CTTCGGGAGTATATTTACGCATTTTCTCATGATCATTTTTTAAACAACGACTCTCGCGTTGCCTATAGAGCCG
AGAGCGTAGCTACTTCTTGCA

>trans_s_5035 AL161552|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 52

ACTTGATTTTGCTTATTTAGCCATTTGTGCTACAATTAGTGTCATATTTGGAGCTGTGGTCGTGCACGGTGGGA
ATGGATATGGGGTTATAGTGAGGATTGTTGTTGGTGGCTTCTTGTTGGCGTTTTGGTGATTGTGAATTTGGT
GGGATTGCTTGTTTCAGAGTGTGTTTTACTATGTTTGCAAGAGCTTCCATCATCAAGGAATTGATAAGCTGGCTT
TACATGATCATTTGGGTGGATATCTTGGTGAGTATGTACCTCTCAAAGTAGTATTAGATGGATAGTTTAGAT
GCATGAGGTAGAGAAAAGAGCAATTTGTTATCTAATGTTGTTGTAAGAAAGATAGTATTTAATCCTTTTCTCAAG
TGAATTTGTGGAAGCTTTGTTCTATTTTATACCTACTACCACTTGCAATTGATCCTTAATAATTTCTAAGGATC
AGTCAAGTCCTTGCTTTGAATTGCTGGTGGGATTATACTGTACTGTGCCATGGATTATTTATATGTTGATGGG
AAAGTTCTGATATTGTTTT

>trans_s_5036 NM_001060940|*Oryza sativa* Japonica Group Os05g0104800 (Os05g0104800)
mRNA, complete cds

ATTTGATATTCTGAAGACAACCTTCTGTTGATAAACTGCCAAATGATTTGGAAGGAATGGAAGCTTCAATGGAG
AGATTGCTTGCCCTAATTGACGACATTTACAAATATGTTGATAACGTTGTGGAAGGGCACGTTGAGGCTGACA
ACACGATAGGGAGATTTCTAGCTGACACTGTAGCATCTTCCAAACTGTCGCCAGCTGCTTTTGATAAGCTG
ATGAACGACAACGTGCAGGACCATTTGCTGTTGCTGTATTTGTCGAGTATAACCCGGACACAGTTGAGCTTGG
CTGAAAAGTTGAATACCGCAGCTCAGATCCTGTAACCTCAACGAGCATAGTCGAAATTTTCGTGTTATTTATTT
GGTGATTGACCAAAATCTAAGAATATTTGGTTACTTTGATTGAGCTTACTGTCAAGAGATTCTTGTTATACTGC
CTGCTTTTGTGGAATATGTTGTCTAGTTTTTACTTTACTACCATTATTAACATCAACAATTTCCCCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5037 NM_001066956|*Oryza sativa* Japonica Group Os07g0640200 (Os07g0640200)
mRNA, complete cds

ACCTCTGAAGGAGAATCAAATTCCTCCACCTCATTTTCGGTCACTCCCTCCATAGTGTTACCCTTGAAATTTTCA
AGGCTATATCGATGAACACCGACTGGAAGGGGTGGAAGAATTTATGTTTCCTTATAGTAAATCCAAGCTTTC
CACCATTTAGAGGAGGCGTTTGCTGCAGAAATTTATTGAATGTATCCCAAGACTTCTCTGCATAGCGGTTGCG
AATATCTTCGCGTGTTAATGATCCGTTCTTGTAACCAGCATTACCATGTAGCTCTCCGGGTCTACTGGGTTTG
GAAAAACATGTCCCTCTAACCTGGGTTGTGGATCGCTAGTAATCCCAAATACAGTGCTACTTGTGCCAAGACT
AATTGCAAGATCCCCAGGAGTATTAAGAGTTAGACCTACAAGGCTGTTGGGATTGTCTCTGACCACTGAACA
ACCAAGCAATTCTGATTAAAGTTATATCTCTTAAAAAATATGGAGCAATGTAACCAGCAACTCCATATGCAGG
GGCTAGCTTCCCGAGTTTCTCT

>trans_s_5038 AB293950|Nicotiana tabacum RsRG3-13 mRNA for hydroproline-rich glycoprotein
like protein, partial cds, responsive to Ralstonia solanacearum infection

AAGTGCATTGAAGAGCACAAAGCTTGAAGAACAATATCCTGTTGACCCTCTTCAGAAACGGGTCATCCAACTTG
AGAAAGCTAAGGCTGACAAGAAAAGGGTGACCGAGGCTACAAAACCTCAACCAAAGCGACCCCGTGCAAC
GGTGTTGGTTATGCCCCACTCATGAATAACAACAATGTTGCTGACAAGAACTTTTATGGTAGAGTGACAGATA
GATACCCACAGTACATGTACGATCGACAGTACATGTACCCGACCCCTAACGACAACCATTGCCCATCCCTCTTG
GGTTCGGCCATGTACAACATGTCTCCTGCAGCTCATGGAACTACTTTGGAAATGCTTACCAGTATCAAGCTGC
TGCGTATCTTCACTGAATCAGATCAATGATGGTAAGAGGTGACTATGATCCTTTGTTAACTGTTTAGAATATTA
ACCTCAATGGCTATTGGCAGTGTATGAATGAAGTTTAGTAGTAAACTCTGAACTTACCCAAAAACACAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTTGT

>trans_s_5039 XM_002894487|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-protein ligase 1 (UPL1),
mRNA

AAGGTTTCAGATTCACAAGGTATATGGAGCTCCTGATAGGCTGCCATCAGCCCATACATGCTTTAATCAACTAG
ATCTCCCCGAGTACTCATCGAAGGAGCAGCTTCAAGAACGCTTGCTTCTTGCCATTCATGAAGCCAGTGAAGG
ATTTGGCTTTGGCTAAGCCTCCTTCCAATTTGCGTTTCGAGAAAAATGCACATCTGAAATTGCCATGTACATAT
GAAGGCAAATGCTGCGGATCAAAATATGACATTGGAGGCAGGGGCGTTGAGAAAACCTTGAAGGAGCCGG
TCCTGGAAAAATAATGAAGCTTGCTTGATCTTTAACGGAGCAGCCAATTACCGTGATTTTTATTGAGGTACCAA
TGTGCTTCTCCTCAAAGTGTGTGACCAATTGGTTTGAGAAAGTGATTCTTTTGTTGGAATCCTCACCATTCA
AATGAGTTTCGATTGGGGTAGAATAATACACAGGGTTGATAACAGAAATGACCCAAATTCCTTATCTTGTCTAT
AATGAGTTTCTTTCTTTCTTT

>trans_s_5040 NM_203099|Arabidopsis thaliana AGP41 (ARABINO GALACTAN-PROTEIN 41)
(AGP41) mRNA, complete cds

CCTCATTCATAACCTTCGCATTTCTTCTTCTTGTCTCTCTCTAGGGTTCTTCTGAGAGAGACAGAGAT
GGCTGTTTTGAGGGCTTCTTGTGTTTGAATCTATGCTGCTGTGCTTATTGCTGTCTTTTATGTCCTTGCTCTGCCT
GTATCTTCAGCTGAACCTTCTTCTTCTCCAGCTCCAGCTCCAAGTACGATGGAACCACAATAGACCAAGGAAT
AGCACATGTTCTAATGCTGGTGGCTTTAGTGCTAACGTACATCATCCATTGAAAAACAGAAGAACAATTACCT
ATGAGTTTCTTTATTTTCAAGTCTATGAGATGAAAGGAAAGAGGGTGTGGTTGTCTTATTCTATATATTTGCCA
TATTTTTTTTTTGAAGCTTGCAAAGGTTTCATTTGTAGAAAGTGATCTGTTGTATTGTATTATAATTTATTTAT
ATATTTTTCATTCCTTTTCTTCAATGATTATTGTTTCCTTTGTGTATTCTTATTGTCCTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_5041 FJ032298|Baccaurea ramiflora genomic sequence

TCTACTTCCTCAGAATCCATTTCTACTTTTTCTGCAACTTCTGTTACAAAATGTACATGGGCACCTGGTTCCTCTT
TTTCTTCACTGTAAACGATATTGCTTGATGATTCTGTTGTTACTTTTGGAAAGTTCACAGCCTCTGATGGTTGTT
CTTCTACTTTTTGTGGGGTTGCCTCTGCTGGTACCTCCAAAGTCTCTTTCTATGACTTCTTTAGTTGGTTGCTC
TTCTGGTGGGCTCTTGCCATTGTCAGTTGTATCAAACCTCCTTTATACGTTTTTCCAAGTACGCAATTACTGGCAG
TTCTATTGCTTCTCTCCAACCTGGTTCAACCGATGGCCTTCCCTCATGTAGAGTCTCATTGGTGGCAGTAGCAAT
TTCCACCTCTGAAACCGAAGTAGATTCTTTTTCCAACCTGCACATTGTCATGAACTGGAAGATTAACAACAGGAG
TTTCATCTATTGTTTGATCTCAATTGCAGGAGGCTCAGCTTGAATATCCACTGCCTTTTCTTTGGATGTCGACA
AAGTACTAT

>trans_s_5042 HQ622716|Phaseolus vulgaris cultivar BAT93 60S acidic ribosomal protein PO
mRNA, complete cds

CAGGGGCTCCAACCTTGATTTGGCCACCTCTTCACTGACTTCCTTCAAATCACCTTGGTGAAGATCAAACCA
ACATTGCCCACAAGAAGGGGAAGAAGGTTGAGGTAAGCCTTGTTACCACTGCTGCTCAGAGTGGATCCTCACA
GAGCGCTTCATCATGGTGTTTTTCCCATGAGCACAATGGAATCACACGGAGACCCTTCTAATGTTCTGGAG
CTGGTTGGATCCAACATTGTCAGCGGCCACAACCAAGACCTGGCTATACTCATCGAGAAGCTGGCAGAGCTTG
GAGTCGTAAAGCAACCTTCTTTTCAGCCTTGGTGGGTTTGATAGCCATTGAAATGGGTAAAATTCTAAGATACA
ACAAAAAAGGAGGTTACAGAAGAAAGAAAAAAGCAAACTGAGGGCCAAGACGAAGCTGGATGCTCTGCC
AAGGCGGACAGCGAAGCTATGCCGTCTCTTTAACCTCTGTGTAATGCTAAGAAGGGTTTTTLAGGGTTTTGGA
CAACTCTGGGGAGCTTAAAAGACT

>trans_s_5043 X52743|Tabacco Cab21 mRNA for major chlorophyll a/b binding protein

AACCATGGCTCTATCCTCGCCCTCTCTCGCCGAAAAGCGGTGAACTTACGCCTTCTTCCCCGAGCTTTTCG
GCAACAGCAGAGTCAACATGAGGAAATCTGCCGCCAAGTCGGTTTCTTCTGGAAGCCCGTGGTACGGACCTG
ACCGTGTTAAGTATTTGGGCCATTCTCCGGTGAGCCTCCATCCTATCTTACTGGAGAATTCCCCGGTGACTAT
GGTTGGGATACTGCTGGACTTTCTGCTGATCCTGAGACTTTTGCCAAGAACCGTGAAGTGAAGTCATCCACTC
TAGGTGGGATATGCTTGGAGCATTGGGTTGCGTGTCCAGAGCTTCTTCCCGTAATGGTGTGAAGTTCCGA
GAAGCAGTATGGTTCAAAGCCGTTCTCAGATTTTCAGCGAAGGTGGACTCGACTACTTAGGAAACCCAAGTT
TGATCCACGCCCAAAGCATTCTAGCCATTGCGCCTCCCAAGTTGTTCTCATGGGGGCCGTCGAGGGATACCG
TATTGCCGGTGGTCCAAGGA

>trans_s_5044 XM_002894170|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata U-box domain-containing protein,
mRNA

ATTGAACTAATTTGCAGAGTTCGACCGGTTGCGATGCGTTTGCAGCTCACGCGCTCACCGTTCGCTTTTGGT
GAAAGTCATTTTGAAGATCTCGGACAGAGCGACGGAGTCGGCTGTCGGAGCTTTGGTGTGCTGTGTTTCGGC
GTCGGAGGAGAATCGGAGGGAGGCGGGCGGGGATATTGACACAGTTGTTGTTGTTGGTGCAAAGCGAT
TGTACGGAGAGAGTTAAACGGAAATCGCAGGTGTTGCTGAAGCTTCTTCGAGATTCATGGCCGCAAGAGTCG
GTTGGAAATTCGGACGATTATGGTTGCAGTGAAATTGTGGTACCATTTTGTTAATTTTTCGGATTTTGAATCT
GAAATGACCATGGATTGTTGGGTAAGTTAAAAAATTCATCAATGGAAGAAAGAACAGAACTACAGAGACAG
AGACAAGAAATGGAAGAGATGAAGTTGATAGTAGTTATCTGTATGTAATTTTGTACGTAATTTTATTTTAT
TTTTATTTTGTCTCAATATCTTT

>trans_s_5045 AB182925|Citrullus lanatus mRNA for argininosuccinate synthase, partial cds

CTCAGTGACCGTAACCGGACGCAAAAGTCCAAACAGCCTATATAGACAAGACATATCCTCATTCGAGAACGGG
GATGTGTACAACCAAGCGGATGCTGCTGGGTTTCATCCATCTCTATGGCCTCCCAACTAGAGTCCGAGCAATGC

TTGAACAAGGAATCTAAAGAAAGCAATGAAATTTAGTGGAAGTTTGAATAAAAAATGTTTGGGGGACATGGGA
ATAGTTTTTACTCGAGAAAAATTTGTACGCTGCAGTTTTTTAGTTGTCCCGCCGCACTGGAAAAAGAATCTTTT
GGTATTTCACTGCTAGGGAATGCGCTGTCAAATAATAATGCTTTGTTGAGAGTGTGCCACCAGACCCCTTTT
CCTTCTTCAGGTTTTTATGATATTTTTCTATCTAAAAAGCAAGGCTTAAATTTGCCTGCCTTCAGCAATCAACT
ATGGCTGCTCGTTTTGTTGTTACTGTGTCTTCCTTCTGTCTTAATTCAATGCAAGATTCCGAATCTCTACGCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5046 XM_002872755|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

ACGAGTGTAGTAATCAACATATTACAGGGTGTTATTGAACTAAAATGTATGGTATTTCCAGCTGGGCCATCATT
GGTGACATGGGTTATGCTTTGAGTAGGCTAGAAATTGGTTCTGACTGTGATGGCGACATGAGTACCAGTGCA
TCGGGTGAAGGTCAAGTGTGCAATAAACCTTTGAATAATTTAGATGATGAAATTGCTCAGCTCACTAGAATGA
AATCAGGACCAAGTGCACATTTAAGTCAAGTACTGCCTGGGAAGCCGGAGGTATATATTTACCTGTAAAAAT
GTTGGCAGGTCTGGGAGTGTAACTACTCAGGAAAGGGGAGGTTCTCAGCTGGAGATTGCTGTACGTTTTAAG
CAGATATTTGCCTGTTAATGGTCCATGGCTTGTGGATCAAATGACTAGCCGAGCATATGTCTCGCAGTTTTCAT
CAGATGGTTCCTATTTGTGCGCAGGATTCAGGGGAGTCACATTAGAATATATAATGTGGATAGTGGGTGGAA
AAGTCAAAAGAACATTCTTGC

>trans_s_5047 FJ708800|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

GAATTCTTCTTGTATACGACTTTGTCTCGAGAGGAAGCTTGTCTCGGTATTTAGATGTGGAAGACAGTAGCA
GCCACGTTCTTGAATGGTCTAAGAGAGTTTCAATCATCAATGGCATTGCAAAAGGCATTGCATATTTACATCAT
GAAGAAGCAAACAAACCAGCCATGGTTCACAAGAGCATATCTATCGAGAAGATTCTCATTGATCATCAATTCA
ATGCATTGATCTCGGACTCCGGCCTCTCCAACTTCTTGGGACGACATTATCTTTTCATCTCTCAAGACCAGTG
CAGCCATGGGATATCTTGACCTGAATGCATTACGATCGGTCGTTTCACAGAGAAGAGCAACATATACGCATT
TGGAGTCATCATATTCCAAATTCTTTCTGGGACGCGAGGACTTGCAAACCTCCCTTCTCTTGGAACCGAAGTAT
GCAAATTCGAAGATTTTCATCGACAAAAATCTGAAGGGAACTTCTCAGAATCCCAGGCTACAAAGCTAGCAAA
TCTTGCACTATCATGT

>trans_s_5048 NM_111432|Arabidopsis thaliana RPL18 (RIBOSOMAL PROTEIN L18); structural constituent of ribosome (RPL18) mRNA, complete cds

TCCAGACTTATCAAGTACATGAAGGGAAAGGAAGCGAAAAATTGCTGTCGTTGTTGGAACCGTGACAGATGAC
ATTTCGCGTTTACGAAGTCCCAGCATTGAAAGTTACAGCCTTGAGGTTCACTGAGACCGCAAGAGCCAGGATTG
AGAAGGCAGGTGGTGAGTGTGTTGACATTCGACCAGCTTGCCTTGAGGGCTCCTCTTGCCAGAATACGGTTCT
TCTTCTGGACCAAAGAACTCTCGTGAGGCCGTGAAGCACTTCGGTCTGCTCCTGGTGTGCCTCACAGCCACA
CGAAACCATACGTGAGGTGCAAGGGAAGGAAGTTCGAGAGAGCCAGAGGAAAGAGAAAACAGCAGGGGATA
CCGAGTTTAATTTGTGAGACAAAAATTCACGTTTTGCTAGACTTGAAGAAATATTATTATGTGAGACTCTATCA
TGTCTTAGTACAAGTTTTTCTTCTATAAAAAACCAAATCGGATCCGGTGATAGATATTGTTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5049 AY093364|Arabidopsis thaliana photosystem II 5 kD protein precursor (At3g21050) mRNA, complete cds

AAAAACTACATCCCATTTCTCCTTCACCCAATTCCTCAACTTATCAACAATCTCTTAACCCCAATTTCTCAAATT
TCCTAAATATGGCTTCATGGCTATGACAGCTTCCTTCCTCCCCACCACCGCCACCAAAACAACCCTCCGCCACCC
CCCGTAGAGCCCTTATTGTTGCCAAAGCATCCACCTCTAACGAAACCTCCAATGTCAACTTGGAGGTCAAGAAT

GTGAAGGTAGAGAGCAGGCAAGGGCGGCGGGAGTTGGTGGCGGCTGCTGTACAGTAGCTGCGGCAACCTT
GGCGAAGGCGGCGATGGCGGATGAGCCGGCACGTGGGTCTCCTGAAGCCAAGCAGAAGTATGCTCCAATCT
GTGTACAATGCCTACTGCCCGTATTTGCCGCAAGTGATTTTGAAGAGATGTATTTTTTCTCTGTTGTCTTTC
TTCTTCTGTCTATTAACCCCTTCCATTTGGTTTCAGACTTTGGAGTTTGATTGTAAAATCTGTAAAACAAAGC
TATGAATTGCCATG

>trans_s_5050 BT025579|Arabidopsis thaliana At5g55620 mRNA, complete cds

GCTTCTTCTTCATACCCAAGTCAGAAGAGAAAAAAAACGCTTTACATCGCTCTCTTTGTCCTCTTCTTCAACTT
TTTCCCTTTTTCTTGAAATGGGGTTGAAGTGGATTCTCAATTCTGCCTTTACTCAAGTTCTGGGTCTCACCGAG
AAGCAACAACAGAATCAGAAGGAGGCAGGAGGAGAAGGAATCAAGAACGTGGAACAAGTGAAGGAGGGG
CGAGATTGTTTTATGGTGGAGGATTGAATTTTGAAGTGGGTTTCAAATGCCGCTTCATTATCCTAGGTACAC
GAAGAGGGATTATGAGGAAATGGAGGAAGGTAAGTTGGATTGCTTCTGAAACAATATGGACTCTGTTTTGA
TGGTACTCTTGAGGAGAAAAGGGCATTGCTATTGGGACGTTCTATGGCCTGACCAACTTTGAATTTACCCAC
CATGCGTTTGATGAAATTCCTCAACGAAAAAATGACCCGGTTTTTAAGGTGTTGTATAGCTAGGTCAATGAAT
GTGATGTAGTTTAAGAT

>trans_s_5051 AB244303|Cucumis sativus CsGRP1 mRNA for cell wall glycine-rich protein,
complete cds

TTGGCCTTCTTCTCGCCTTCGTTCTTCTCCTCTCGTCTGAGGTGGCCGCAAGAGACCTTGCGGAGACCTTCTCCA
AGACGGACAACGAGGCCACGGTGGAAACCAATGGTGTAGAGGATGCCAAGTATGGAGGAGGGTACGACAG
AGGCTATGGCGGTGGTGGTTACGGTCGTGGTGGCTACGGTCGTGGTGGTATGGTCGTGGTGGTATGGTG
GTCGTGGAGGCTATGGTGGTGGCCGTGGTGGGTATGGCAGAGGTTGCCGATATGGTCGATGCGGGTACAGG
TGCTGCAGCTACGCTGGTGAAGTAGTAGAGGGTGCAAAACCTAAGACAAGGTGTAGAATGGGATGAAATA
ATAATAAGGTTTAAAGTTTAATTTGTGTTTGGTTAAATGTGTGAACTGTGGAAGTTTGAGAAGAATAAATACA
TGGGGAATGGGAGGAGTGGCTTCATCTGTAGTTTTCTTTTTCCCATGTTTGGGTTTTAGTATGTTATTGCAA
ACTAGTTCTGGCCAAAACTTTGCC

>trans_s_5052 XM_002308526|Populus trichocarpa precursor of carboxylase p-protein 1, glycine
decarboxylase complex (gdcP1), mRNA

TGACGCCCTCATTTTCGATCAGAGAAGAAATTGCCAGATTGAGAAAGGAAAAGCTGATATCAACAACAATGTC
CTAAAGGGTGCACCTCATCCACCATCTTTGCTAATGGGAGATGCATGGACAAAGCCATACTCTAGGGAATATG
CAGCTTTTCCAGCTTCTGGCTCAGGGCTTCCAAGTTCTGGCCAACGACAGGACGTGTTGACAATGTGTATGG
TGATCGCAACCTGATTTGCACCCTACAGCCAGCGAACCAGGTTGTGAGGAAGCAGCAGCAGCCACTGCTTA
GTTTCCTATTCACTTCGCCTTCTGCAAACTCTCAATGATATTATCCTCTCTGTTTCACCCCTCTAGTTTCACT
GTACATACGTTACCAATATTCATATTTGTCATTTTCACTTTCCTGATATGTTGAAAATTACAAGTTGCTGCAATAT
AACACTTGTTGCTGATTGCAACGTCATTGTAGTAATTGTTGCCTTGGCTTCCTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_5053 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GATAACAGGCTGATGACTCCCAAGAGCTCTTATTGACGGAGTCGTTTGGCACCTCGATGTCGACTCATCACAT
CCTGGGGTTGAAGAAGGTCCCAAGGGTTCGGTTGTTGCGCGATGAAAGTGGTACGTGAGTTGGGTTTAGAAC
GTCGTGAGACAGTTCGGTTCCTATCTACCGTTGGTGTGAAAGGGAGAACTGCGAGGAGCCAACCTAGTACG
AGAGGACTGGGTTGGGCCAACCTATGGTGTACCGTTGTTATGCCAATAGCAGCGCCGGGCAGCTAAGTTGG
TATGGAAGAACCGCTGCGCCGCGGGAAATCCTTCTCTATACAAGTTCTCGGACGAGGTTTTTGAACATCACTTC

GATAGGCGAGAGGTGTAAGCACCGCGAGGTGTTTCAGCGATCTCGTACTAAACGAAAGGACTTGCACTTTCCC
CATAACCAAAATGAAAGAAAGTCAACCTATTCTGCAATTGCGGTCAGTCTCGCTACCTCTTTAGTTGCCGCCC
CTTTGAACATCACTTCAGCG

>trans_s_5054 AY527169|Citrullus lanatus var. lanatus NADH dehydrogenase subunit F (ndhF)
gene, 3' UTR; chloroplast

TATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTCGGAAGAGATCCGAGTGAATGGAAAGGAAAAACAAAGGATGAATTCCA
CTTTAAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAAACTTCTTACCCTCCGGATGGAAATAAAG
AAATTCGAAGTTAGAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTCTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTGACTATCCTT
TTCGACTATAAACGATGGAATCGTCCAGTTCGATATATAAAAAATGATAAATTTGAAAATGCTGTTAGAAAA
AACAAAGTAAATTAATAATATAAACTAACTAAATAAGCTAAATACAACAAGATATAAGACGAGATTTCGACCA
CCTCCTACATATTTAATACTTTCTGCTACAAAAAATTAAGAATACCCACCGCATTGATAATTCATCAATTTAG
GCAGCTAGTTTTTTTTTCTTTTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACT
CCGATCCCGAAG

>trans_s_5055 XM_002892400|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-D-apiose/UDP-D-xylose
synthase 2 (AXS2), mRNA

TGACCACCATCCACAAGCTTCAGTGGCTCACGGCGTAGAAGATTATTGCTAAAGCAAGCTAGAACTCTTGAA
CACCTCACTTGGGCCATCAATGCCAGGAATGAAGTCCATCCTTGGTCCGATCCAGTTAAAGGGTCTTACAATC
GTAAATCCAACCCATTTTCCGCACCCTCAGCATAAATCAGCCTTTCGATCAATTGTTTCGCACAAGCATAGGA
CCATCTTTGCTTCTCAATGGGACCAAAGATGCAAGGAGAAGTATCCTCACTCAAAACATAATATGATGGATCCT
GACGAAGAGGGCTATCTTTTGAAGAAAGCTTCCAATTGTCTTACCATATACTTCGCAAGTTGAAAAGTGAAT
CAGACGTTTGTGTTGCCAGAACGATTTTACCACAGGAATTGCGTCGATAAAATTGCTGTAGATAGTATCA
AGGGGTCGCGTATTGTAGTCCGCCGGAGTACAGATCGCAGCAAGATTTATCGTCAGATCTGCCATTCGGATGA
GGCTCTCAAGCCTGG

>trans_s_5056 AJ249329|Cucumis sativus mRNA for heat shock protein 70 (BiP-related)

CAACGTTCTCAGCTTCCATTGATTGCATTTTACAAGATTATCGCCATGGCTAGCTCCTGGAGAGCTCGAGGAT
CTCTCATCGTTCTAGCAATTGTCTTCTTCGGAGGTTTATTTGCAATTTCCATTGCGAAAGAGGAAGCAACAAAA
TTGGGGACTGTTATTGGGATAGATTTGGGAACCACTTACTCTTGTGTTGGAGTCTACAAGAACGGTCATGTAG
AAATTATAGCGAATGACCAAGGAAACCGTATCACCCCTTCTTGGGTCGCTTTCCTGATAGTGAGAGATTGAT
CGGTGAGGCTGCGAAGAATCAAGCAGCTGTTAACCTGAAAGGACAATCTTCGATGTCAAGAGACTTATCGG
TAGAAAGTTTGATGATAAAGAAGTTCAGAAAGACATGAAGCTTGTTCTTACAAGATTGTGAATAAGGATGG
AAAGCCTTACATTCAAGTGAAGATCAAGGATGGGGAGACCAAGGTTTTTCAGCCCTGAGGAAATCAGTGCCAT
GATTCTAACTAAGATGAA

>trans_s_5057 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

AAGTGGAGAAAATTGCCGTCACTCGCACAGCCATATTATTAAGCTTGTGGTAAGAACGGGTTTCGTTCTAG
TGCCCGAAAAAACACCCCAAACTTTTGTATGTTCTCCGTTCTTGTGTGGATAAGACCTATGTTATAGAGTA
TATAACTTCGATCATAGGGATCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAATTCTGTAGAGCTTCCGCATAATTT
CTTCGGATTGAGCCGACATCCCATCTCTGTAATAGGTGGGCATTGCGAAAATCCCCGGAAGTTGTCGGAATTAT
TCGTAATAAGATATTGGCTACAATTGAAAAGGTCTTATCGATAAAATTTCCATTTATCCCACCAGATCTAGGCA
TCGGTAACAACCCCATCTATAATTTCTTTAATTACCTCTCGTGAGAAAATGATCCCACAAACAAAGGAATTG

[illegible]

>trans_s_5062 GQ997244|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

CAATTTCTAAATGCTGGAGTAGATCCTAAAGAGATTCCACTTCCTCATGAATTTATCTTGAATCGGGATCTTTTG
GCGCAACTTTATCCTAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCATTGTTCACTTTGAATTGGTCAAATATGCGGAATT
TCTTACTTTTCGCGGAGGGTTAGATCCAGTAACCGGGGGTCTATGGTTAACCGATATTGCACACCATCATTTAG
CTATTGCAATTCTTTTCCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACCAACTGGGGCATTGGTCATGGTATAAAAGA
TATTTTAGAGGCTCATAAAGGTCCATTTACAGGCCAGGGCCATAAAGGACTATATGAGATCCTAACACGTCA
TGGCATGCTCAATTATCTATTAACCTAGCTATGTTAGGCTCTTTAACCATATTGTAGCTCACCATATGTATGCA
ATGCCCCCTTATCCATATCTAGCTACCGACTATGGTACACAACCTTTCATTGTTACACATGTGTACACCTAACCA
CCATTTCT

>trans_s_5063 X80755|C.annuum mRNA for PFTF (plastid fusion and/or translation factor

CCGGCGTTGAATCCTCTCTGGTCTGCGCCATTCAATCTCAGAGGCTACCATTCTTTCAATCACTCGTACTGCTT
CGCTCCTATCCGTTTCCCCACAATCCTGTTCTCTGAAGGATAGTAAATATGGTGCCTCTTCTGCATCTGCATG
TCTTGTGGGAAACGGTATGTCCTCCCACTGTGCCAAATCAAATCTACGCAAGTTTTTGCATAACAGGCGATTGCG
TCCCTTCTACAAGCCTCCAATCATTGGGAAAAAGAGCTAAAGCCGGTGTGGTAAAGGCGTCTATGGAACCAA
GGGAGAACGAAGGAAGAAGAGACTTCCTAAAGTTATTGCTTGGTAATGTTGGAGTTGGTACGTCTGCTTTGTT
GGGAAATGGGAGAGCTAATGCTGATGACCAAGGGGTATCTTCATCTAGGATGTCTTATTCTAGGTTTTTGGAG
TATTTGGATAAGGATAGAGTGAAGAAAGTAGATCTATTCGAAAATGGAACCTATAGCAATTGTCGAGTAGTGG
GAAAAGTCCAGTT

>trans_s_5064 AY961940|Picea abies histone 4 (H4) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATGACGAACTAGAATTTTCATTGCAATAACAGTAAATGACTTC
CAAGTTTTTCTAGCAGAACATGAACATCAATGACCTTAAATCCAAAACCCAGATATACAATCATTCGTAAAT
CAACCTACAACCTAGCCTCCAAAACCATACAAGGTCCTTCCCTGTCTTTCAAAGCATAAACCACATCCATGGC
AGTCACCGTCTTCTCCTAGCGTGCTCAGTGTAAGTAACAGCATCACGAATCACATTCTCAAGGAAAATCTTCA
AAACCCCTCTGGTTTCTCGTAGATCAATCCACTGATACGCTTCACACCACCTCTACGAGCCAAACGACGAATT
GCAGGCTTGGAATGCCCTGAATGTTATCTCTCAAACCTTCTGTGACGCTTTGCTCCTCCTTTTCCCAATCCC
TTACCTCCCTTACCTCGTCCAGACATTGTTTCAACTGAAAATTGGGGAAGGAATCGATCTCAAATTTGATTTT
GGT

>trans_s_5065 HM122451|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH10)
mRNA, complete cds

AGAGAAACACAGAGATCGATTTTCACGCAAGAGAAGAGGATGCTGTTGTGAGGGTAAGTTGTCCATTGGACT
CGCACCTGTTTCTAAAGTAATCAAAACATTTAGGGAACATCAAATTGAAGCTCAAGAATCGAACGTCAAGGC
TAGCACTGACAATGACAAGGTTATTCACTCGTTCTTCATTAGAACTGAAGGTGGTGCTGCAGAACAATTGAAG
GAGAAGCTGGTGGCTGCTTTATCAAAATAATATTATATGTAAAGTACCACTTCTATAAATATATAGAGCGAAG
GCTTCAAGTGTTGATTTAATGTGTTCTATATAGCTAGTTTATGTACTTTGTTGTATTAATGTGGAAATTGC
CTTTAGTGAAGTTTGTAAGCCAAATTACATTCTCCCTGTTTGTGTTATAATATCTAAATGTGCCATGTTCT
GTATTGGATTGATAATTAATATAAGTTAAAAATATCAGTTATTAATTGAACTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_5066 AY973011|Coccinia sessilifolia 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGAGGTACCCCTCCGCGGCCAGCTTCTTAGAGGGACTATGGCCGCTCAAGCCAAGGAAGTTTGAGGCAATAA
CAGGTCTGTGATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGCACGCGCGCTACACTGATGTATTCAACGAGTCTATAGCCTT
GGCCGACAGGCCCGGGTAATCTTTGAAATTTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAAC
GAGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTGTACACACCGCCCCGTC
GCTCCTACCGATTGAATGGTCCGGTGAAGTGTTGCGATCGCGGCGACGTGGGCGGTTGCTGCCCGCGACGT
CGCGAGAAGTCCACTGAACCTTATCATTTAGAGGAAGCTGAAGCACCAGTAACTGGTGAAGAGAAGAAAGAA
AAGAAGAAGAAAAAGAAGAGGGTAGAAGAAGAGGATACAGTTATGGAGGAAGATTCAAACACGACAGTTG
AAAGTGTTGGGAAAGATGAG

>trans_s_5067 Novel Gene

CACAACTCTCGTGAGGGCACGGGAGAAAAGTTTGAATCGCTTGACTTTGTAGAATCATCGATTTCTTCTCTT
TAGTTGGCTCTGGGGTTAGTAGCGGCGAGCGAGAGCGGATTGGGGGTTTTAGAAAAAGAAAGACGAGGC
TTTGTTCAATTGACTGAAGTCGATCTTCTTGAACCGCTCCGTGGGGTCGAGCGAGTTCCTCAGCAGGACACAG
GTGTGAACTTCTTTTTCTTTTCGCCAGTTTCATTGATTTGTTGTGGATTGGATGATGAAAAACCAGCAAG
CCGCTTGACCTTTCATACGAGGTCAAGGGTCAAAGAATTTGAGTTGTGAAAAGGTTGGAAGATCTGGCCAAA
GAAGGTGATAGGGGTGTAGATTGTTCCCATGGTTGATCCTTCCAGTCAAACGCGGCGTGTTCGAATTCTG
ATCGCTTTTACGCGAGAAAGGGGGACCACCTCTAAGCCTAAGTATTCGCGAGAGACCGATAGCAAACAAGT
ACCGCGAGGGGAAAGATG

>trans_s_5068 NM_001066303|Oryza sativa Japonica Group Os07g0513000 (Os07g0513000)
mRNA, complete cds

AGATCATTACAGGAATCGTTAGCTAGTGAGCTTGCTGCTAGAATGAGTGCCATGAGCAATGCAACTGATAATG
CCAGCGAGTTGAAGAAGACATTGTCTATTGTTTACAACAGACAGCGCAAGCCAAAATCACTGGCGAGATTTT
GGAGATTGTTGCCGGTGCCAACGCTTTGACTTGAGTCAGTTTATGCTACTTTTAGGTACTTTCACTGAGAATTC
AATAAAAAATAACTATGCACATTTAAGAATTATAACATATTCACAAATTCCTTAGACAAGTGCAATGAGACAA
TGAGGCAAAGTGTCTTGAAAAATAAGACAATTCTCTACTCGGTGTTCCACTTTTTAGTCTTTTTGGTGCTATGA
TGTTAATAATTCTTGATTTGCACTTTCTGGTGAGCTCCGCCTTCTTAAGCATTGTTGGAGTACACATATTTAT
AATAATGGTATCTATTCGGCCTTTTGCTTTTGAGTACCAAAGTTTCGTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_5069 GU397111|Begonia robusta voucher Glasgow Botanic Garden 00804200 tRNA-Lys
(trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GAATGATTCGCCGATCTAATTAGACGTTAAACTATATTAGTGCTTGATGCGGGAAGGACTTTTCTTATGAGTG
AGTTATCCATTTTTTTCTAAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAA
GCAGTATATTGATAAAGAGTTTTTTTCCAAAATCAAAGAGCGATTGGGTTGAAAAAAAAAAGGATTTCTAAC
CATCTTTTTTATCCTAAAATAGAAACCAATTAGATGACAAAAGAAAAGAGAGGATAGAGAGTCCGTTCTATTC
AGAATGGATAAATGCTCCATAGATATATTATTTCTTTATTTTACTGTAATACCTTGTTTTGACTGTATCGCACTAT
GTATCATTTGATAACCCAATAAATCCCATATCGTATCCCCAGTTCAAATCAAATTTTAAATGGAGGAATTTAAA
GGATATTTAGAACTTGAGAAATCTCGGCAACGTGACTTCCTATACCACTTATCTTTCGGGAGTAAGCGCTCTA
ATCTCT

>trans_s_5070 Novel Gene

TGCTGCAAACACAGCAGCTGGATATGCTGCATACCAAGCACCTCAAGATCCCACAGCATATAGTGGAGCCACG
GCAGCCGCAGCAGCAGCTTATACTGCCCCGCCAGTGGGCAGCAAGGTTATACTCAACAGACCGCGACCCAG

CCAACCTATGATCAGTCAATCCAACAATCAGGTGGGTATGGAACCGTGCCTTCAAGTGCTCCTGTAGGTTATG
GGAAGAGTGTGTCAACACAGCCGCAGCCCGGGTACCCGCAGTATGATTCTACTCAAGTTTACGGGGCGAGTC
GTTAAAAATTTTGATAATTAGGTTTAGGGTCTGTTGGTTGTGTAAGGAAGCAGATGTTAGTAGGGGTAGGGG
TGTTATTATTGATGTTATTGGAACCTATTGAATCATTGGTAAACATTGTCTGTTGTATTCTGCATTTTGCCCAT
CGAAGTTATTAAGAGCCAATTCGGTTTATAGTAATATGAAATCGGCACCATCTCAGTTGATGACAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5071 Novel Gene

AAGTGTAGCTGAATTTGGATGCTTAGTTGATTATCGCCATGATTGACAATATTACGGCCAGTTTTTGTGGCTC
ACCTTATAGGCTGAGGGTTGGTTAATCTAGTCTGGTTATATTTATCCAAACGAGTTGGTTTGCTGAATATGCCG
CTCCTTTGGTTTCGGTTTCCAGTTAGCTTCTTGCTTCTTTGCTATACAAAATGTCCCAAGATTCTAATTTAAAGA
GCTCAAGCTTCTTCCCCTGTTCACTAGTAATGTGAGACAATAGTAGAGAAAAATGACTTTCATCACTTCTCTAC
TATGTAAAATCTGATTCTCTAGTTTAAAGTCTTCATTGCTTTCCTTCAGAGACTGATACAACTACTGGCCGTTTT
TCGAGTTGTTTCGGTTGGCATGCTCGTCTGACTTGTGAGGCATTTGTGCATATTTTGGAATAAGCTTCAGTAT
TGAATTCCAAACAAATATATTTATATATATACAATAAATTCCAGATTCTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_5072 AB264615|Cucumis sativus mRNA for histone H4, partial cds

GATCGAAATCAAATCAAACCTCACAACCGATATTGTTCCACATCGCTGTTCTAGTCTAACCCACAATCACCG
GCGACAATGTCTGGGCGTGGTAAGGGCGGCAAGGGATTGGGAAAGGGAGGAGCAAAGCGTCACAGGAAGG
TTTTAAGAGATAACATTCAGGGCATTACCAAGCCTGCCATTCGCCGTTTGGCTCGTAGAGGTGGTGTGAAACG
TATCAGTGGATTGATCTATGAAGAGACCAGAGGGGTTTTGAAGATTTTCCTTGAGAATGTGATTCGTGATGCT
GTTACCTATACTGAGCATGCAAGGAGGAAGACGGTGACTGCTATGGATGTGGTTTATGCTTTGAAAAGGCAA
GGAAGGACTTTGTATGGTTTTGGAGGTAAGGGTTAAGGGTTTTGATTGAAGAATGATTGTAGACCATTACCT
TTGATCTTATATTTGTAGTCGAACTCGTTCCTATTGATTAATGTAAGTTAATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5073 NM_126855|Arabidopsis thaliana CRCK3; ATP binding / kinase/ protein kinase/
protein serine/threonine kinase (CRCK3) mRNA, complete cds

TGGAAGTGAAGAGGCCTCCAGAAGAGCGGGCCACCATAAGATGGGCTTTCAACAAGTATAGTGAAGACAAA
TTTCTGGAAACCTTAGATCCTTTAATGGAGGAAACGGTGGATGCAGACATTGTCATCAAATGTTTGAATTGG
CAATCCAATGCGCAGCACCAGTTCGAGCTGACCGTCCAGACATGAAGTTAGTTGGGGAGCAGCTATGGGCAA
TAAGAGCAGATTATATATCACAGAAGAAGGATAAAGCAAGGTTGCCTTAAAAGATGTGCGATTCCATTAACCT
ACCATATCAATTTGTTGTTACCTCCAACAACACGAGTCTGTTCCACGCTTGATTTTACATCTTCAACCTTGTT
AAATCACCTATTAATTCAATGTTGTTTTTCCCCTCAGTTTCCTTGTTTCAACATATTAGTTTTTTGTATATTTCAA
ACCTATCAACATCCCCTTCGACTATTGTATAAAAGGAACTTACATTCCTTGAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGG
AAAAAA

>trans_s_5074 Novel Gene

ACTTTGAAGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTAAAAAGAGTTCGGATTATAAGTTTTTAAGTGGATCCATACTTTCA
ACACGAAAGAACATAGACATAGTGGTTGTCCAATGAGATACTACGCATAATAATACTACCTCATAATAAGA
TAGTACCTCGGGGTAGCCACCCACATATTACGTGCTTACCATTCTTTTATTATTATTAGTATTTTAGTTAT
TTTCAAATAGGATTTTTTCTTGTTTTAGGGAACCTATTCATATCATGCTTCAAACGTTAAAGCCAAATGGGGT
TTGCTAATTCTTTTCGAAATCCGAAGATAAAAAGTTCCCATGGAACCGAACTCCTGGATCATCTGTCAACTGCT

CAATCAATTACTTCTTTTGAATGCTAAATTTTGCGGCATGGGCTTTGATTATTTGATTTAGATTTCATTCTAATC
AACATGAATTATGAAGCAAAGAAATAGAATTGGGCCACTATGTATATTAGATTATAGGGCGTTATACATAACC
ATT

>trans_s_5075 AB294713|Hevea brasiliensis HbGGPS mRNA for geranylgeranyl-diphosphate
synthase, complete cds, note: HbEST_No.04764

ATTCTTGATGTTACAAAATCTTCGAATGAATTGGGTAAAAGTCTGGGAAGGATTGGTTGCTGATAAAGTTA
CTTATCCTAAACTCGTGGGCATTGAAAAGTCAAGGGAATTTGCTCAAAAATTGAACAGAGATGCTCAAGAACA
GCTCTCTGGGTTTGATCCTGATAAAGCTGCTCCATTGATTGCTTTAGCTAATTACATTGCTTATAGGCAAAATTG
ATACTGTCTTTATGCTAGATTTGTACTGAAATTGAATCCTGGAGCATCTGAATTTGAGCTTGATACAAATAACTT
CTTGAATTCCTGATTCTGGAGTTTGTGTTCTGTGCCATTCTTATGCTCTCTCTGTAGTTTTAGCTTTTTTTTTGGTT
CAACTTCAACCCACCCCTTTTGTATCATTTAGTGTTGTACTCACACTGATAAAAGCTCTTAAAGCTCTGTAATCTT
GTACTGAAACAGTCCCTTTTATGTCAAGTATAAGTGATTATAGCAATTATAGACTTCAAACCTCTGTTACCCATTT

>trans_s_5076 GQ997990|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 ribosomal protein
S16 (rps16) gene, complete cds; chloroplast

CCATTATAGTGTATAGTATGAATAGAACAAGAGAGAGGGGGAAATACTAAAGAAAAGGTTAGTCAAAGCTAT
ATACAAGTTAAGTTATCACACCCTCGTTTTTTTATTTTATTAATAAAAAATGGAATTTGCGTTATTGATTAAGGTG
AAGTTCCGTAAAAACACCTGCCTTCTTTAAATATCATGAACAGTTCCTGTAGTTGAGCACCTTTTCAAGGA
AATATAGAATAGCAGGAACATTTAAATAGGTTTGATTCTTTATCGGATCATAAAAAACCCACTTTACGAAGATCT
CTTCCTTCTCTTCGGCATCGAACATCAATTGCAATGATTGATAAACGGCTCATTGGGATAGATGTAAATTTTA
AGTACCCCCCCCCAGAACCGTATAAGAAGTTTTCTCCTCGTACGGCTCGAGGAAATCAAAGTTATGTATAGAAT
TCTAATTAATGTCAAATAGATCTATAGATTATTAATCAATTAGACTATGATTTTAACGGGGGCGTCCACCA
GCCAG

>trans_s_5077 BT004613|Arabidopsis thaliana At5g60800 gene, complete cds

CACTGCCAGGGGTGCATCGAGAAGATTTACAAAGTTGTATCCAGAACAAAGGGTGAGTTTTACTCTTCACGTT
TAAGTAATGTCCGAATGTGAAAAGATAATTAATGAGTTTTGTTTTGTTTGGTTTCAGGAGTGGAAGACATGGC
GATTGAGAGACAAAAGGATTTAGTAATGGTGAAAGGGAAAATGGATGTGAAAGCTTTGATTGAGAATTTGG
AAGAGAACTGAAGCGGAAAGTTGCAGTGGTGGTACCCAAGAAGGATAAAGACGACGGAGCAAAGGGCGG
AGACGGCGGTGACAAGAACAAGACCGGAGGAGAGGTAGCTCAAGAGGGCGGAGCAATGGAAGGAAACCG
GCTTGATTACGTGGCAGTTCGGTTCCGGGTTATGGATACGGGTACGGATACGGATACGGGTATGGGAATGG
TGGATTTGTTGGACAACATTTGCCTCAGCCTCAACCTTTGCTTTGCTCTCAAATGTTTAGCGATGAGAATCCAA
ATGCTTGCTCCCTTATGTA

>trans_s_5078 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GACCAAAGGTTTTACCTGCGATGCAGCAATGAAATACTCTTCTTCCCCCTGAGTAATCATAAATAACTAATTA
CAAATCTATGATTTCTATTCTCTATAAAGGACCAGAAATGCCTTGCTTACGTATCATTAGGAAGTGCATTAACA
TAAATACGGCAGTAAGAAGAGGTAATACAAAAGTGTGTAACTATAAAAAACGAGTCAAGGTAGATTGTCCCA
CACTAGCACTTCCGCGTAATAACTCTACCAAAGGCGACCTATTACTGGAATAGCTTCCGGTACACCTGTTACA
ATTTTGACTGCCAATAACCAATTTGGTCCCAAGGTTCTTATTGGTGTTACACCAAAGGATGCGGTCAATACA
GCCAGAACCACACCTGTAACCCAAGTCAATTCACGAGGTTTTTTAAATCCACCAGTAAGATACACGCGAAATA
CGTGCAGGATCATCATTAAAGACCATCATACTGGGAACCTTTCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAAT
ATTT

>trans_s_5079 XM_002514486|Ricinus communis Diacylglycerol Cholinephosphotransferase, mRNA

GCATGTTATTTTGAGAATTTTCTTGTTCAAGCTTTTGGCTGATGAAATTTCTTTCAATTCCTTTCTTACTTCGTTCC
GACTCTATCGATTTCAAGACTTGAAAGAAATGGGCTATATCGGAGCACATGGCGTGGCGGCACTCCGAAGAT
ACAAGTACAGCGGTGAGGATCACTCTTTTGTGGCGAAATATGTCTTGCAACCTTCTGGAGCCGTTTCGTGAA
TGTATTTCTCTTTGGATGCCCCAAACATGATTACATTTGCTGGATTCATTTTTTTGGTCACATCTGCGCTGCTT
GGCTACGTGTGTTCCGCCTCATCTAGATTCAGCTCCACCAAGATGGGTTTCATGTTGCCCATGGGTTACTCCTATT
CTTGATCAGACTTTTGATGCTGTTGATGGAAAACAAGCAAGAAGAAACAAATTCCTCGAGTCCATTGGGAGAA
CTTTTTGACCATGGATGTGATGCACTTGCTGTGCGTTTGAATCCTTAGCTTTTGAAGCACTGCCATGTGTGG
A

>trans_s_5080 Novel Gene

TCAAAGGATACAAAGGTTAGGACTTGAAAGCGAAAGTCCTTATTCCTTATTATGTGAAGGAGCCCGACGATTA
TCAGAACAAATATACCGCTCCGGACGAGTCAGAAATCCATATTCATCTGTAAGGATCAAAGAATTATCTCAGCT
CATTGAATAAAGACTTCCTTATTCTTCAAATTCAAAGGAGTGGAAGTCAAGTCAATGGAATATGAACCTCCGGAC
GAGTCAGAAATCCATATTCATCTGTTAAGGCTCAAAGAATGATCAAATCTTTTCGAATTCACACTCAAAGGT
TTGAGAAGCGACTTCACAGGTGCGAAGCAGCTCGACTAAGTCAGATAGAGGCGGAGTAGGAGTTGAGTTGA
TAAGGACATATTCACGAGCTATATACTCCGGAGGAGGTCGTCTTGACCCCGTAGCTAGGAGCAAAGAATTTGC
GAAAAACCATATTCATCTTTCTTTGAGCCTTGCTTCGCACCGCCTCAATGAACAAGGGGCCTTGATTCTGGTA
GTACGGA

>trans_s_5081 XM_002330058|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAGAAATCTATGTTATTGGCGGAGTTGGAGGAAGTGAAGCTAATGTTCTTACATGTGGTGAAGAGTATGATT
TAGAAACTCGAAAATGGACCGAAATTCCTCAATATGTCACCTGGCCGTAGCCCTGCAGCTAGGGACACTGAAAT
GCCGGCTGCAGCTGAAGCACCCCTCTTCTTGCTGTGGTGAATAATGAGCTGTATGCTGCAGATCATACTGAT
ATGGAGGTGAGGAAATATGATAAGCAAAGAAGAGAATGGAATACGGTTGGAAGATTGCCTGAACGAGCAGT
TTCAGCAAATGGTTGGGGGCTTGCCTTTAGAGCTTGTGGAGATAGGCTTATTGTTATTGGTGGACCAAGGGC
AATGGGTGAAGTTATATAGAAGTTAATTCATGGGTTCCAAGTGAAGGACCTCCAAGATGGGATTTGCTTGCA
AGGAAGCCATCTGCAAATTTTGTGTATAACTGTGCTGTGATGGGATGCTGAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5082 NM_001056460|Oryza sativa Japonica Group Os03g0312600 (Os03g0312600)
mRNA, complete cds

ATCACTGAAATTACCTCCATTAGGCCCAAGATTGAATTGTTTCATCACTTCCTTGTATCGCACGGTATCTCTTAT
ATCAATATTAGCACCAAAAGGTAGCGTCATTACAGCAGGATCGAGATTCATTACATAACCCCTGATATTTGAA
GCATGTGTGTGGCACACTAGACGATGAAGAAAAGTTGTCTTCCCACTCCCTGCCATCCCTATGACAATGATAAT
GACTGGTTTTCTGCTGAAGTTTGTGGCTAAAGAGCCTGCATGCCTAGATGATTCTTCAATATTTAAGTTCTTAA
TTGAATCAGCAAGCTCCTCTTTGCTTTACCCTTATCATTTGAATCTTCAGATTCCATTGGCCTGCACTCGGCGT
CATCGGATGGTTTATGACTGACATCAGAATCGACGTCCATTGTTAACACTAGGAGTAAGTCTACAGCCGCACG
AGCAGATGAAAGGCCGTGGTGGCGCCACTGAAACGAAGAGAGGCGGCGTCGACGACGACAATAAGGTGCT
GAAAT

>trans_s_5083 FJ647191|Ananas comosus zinc-finger transcription factor (RCHY1) mRNA, complete
cds

ACAGGGAGCTCTGATACGACACCTTCGCCTATAATGTGCACATCCATGTTGCATGTATTCCCTCTCCAACACCT
CCTGGGGGTCATTTGATTTCTCAAAGGGCAACGCCAGAGAATCAAAGTCTCAGTGACACAGTTCTTATCTCC
TTTCTCTGCATGTCATATGTTGATTTCTCCGTCCTCAATTGGTTGAGGCTTTGAGTAAGTTGCAACCTCTGCC
ATGGAAAAATAATATCTTCCAAGAAACGTTGTACAGCTCCAATCATCAGAACTCCATGAGGAGAGTTTCATCCA
AAAAAGAAGAGTTTTAGGAACCCATATAATAACTACAACGCAGCACTGGGGGACTCCAGAGCTCCAGCTTTG
AATAGTGACCATTTGCACATCATGATCACTTGATTTGTTGAAGACTCCGGATGCAATTCCTAACTGAGTC
AAACAGTGGATGCATCAACCTATGGTAAAAGCAACACACCCAATCAAATGTGTTCCACAAATAACAAAAAAA
GGG

>trans_s_5084 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

AAAGTCCCTCCCCATTTTGGTTATGGGGAAAGTGCAAGTCCTTTGTTTTAGTACGAGATCGCTGAACACCTCGC
GGTGCTTACACCTCTCGCTATCGAAGTGATGTTCAAAAACCTCGTCCGAGAACTTGATAGAGAAGGATTTCC
CGCGGCGCAGCGGTTCTTCATACCAACTTAGCTGCCCCGGCGTCTGCTATTGGCATAACAACCGGGTGTGTGCA
GACCAATTTGGTCCAGTCCTCTCGTACTAGGGTTGGCTCCTCGCAGTTCTCCCTTTCACACCAACGGTAGATAG
GAACCGAACTGTCTCACGACGTTCTAAACCAACTCACGTACCACTTTCATCGGCGAACAACCGAACCTTGG
GACCTTCTTCAACCCCAGGATGTGATGAGTCGACATCGAGGTGCCAAACGACTCCGTCAATAAGAGCTCTTGC
CTCAACAAAAATTACAAATGTCCGGCGGCACTCAATCCGCATCGGTCCATGCCCAAGTGTCGGGGCGGACCG
GCTCA

>trans_s_5085 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate
carboxylase/oxygenase, complete cds

TTAGGACGAACGGAGAGACGAATAAATCTGTTGCCTCTGTCAACAGTGCTTCCCCTGCTCAAGCTAGCATGGT
GGCACCATTCACTGGCCTCAAATCCGCCGCTGCTTTCCCGTCACTCGCAAGAACAACGACATCAACCACTTTGG
CTAGCAATGGTGGAAGAGTTCAGTGATGAAGGTGTGGCCACCACTTGGATTGAAGAAGTTCGAGACTCTTT
CTTACCTTCTGATATGAGTAACGAGCAATTGGGAAAGGAAGTTGACTACCTTCTCAGGAAGGGATGGATTCC
CTGCATTGAATTCGACATTCACAGTGGATTGTTTACCGTGAGAACCACAGGTCACCAGGATACTACGATGGA
CGCTACTGGACCATGTGGAAGCTGCCCATGTTGTTGACGTGGTCTCATCTCAGGTGGTTAACGAGATTGAGG
AGGCCAAGAAGGAATACCCCGACGCATACATCAGGGTTATTGGCTTTGACAACGTCCGTCAAGTGTGACATG
CTGTGGGAC

>trans_s_5086 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CCCGCAATCCCTGACTATTCTGATATTCAAATTCGATAAGGATGAAATTAGAACAGTGGATCTTTTTTATTTC
TTTTCATATTTATTTGGACTCCACACACAGGAATCTGTCGATATTTCCGATTAAATCCTCTTGTTTGTAGACGTT
TATAGTAAAAAATTGCTATTTCTTTCTCCACAGAGAAACGTTTATTCCAAGTCACAACATATGAGCCGTTTAA
GGGCGGAAAACCTTTGATTCCAAAACAGAGATAACAGAGGATAAGATAAATTTCTATCTCTATAAGATAAGAT
ATTTTCTATCTCTATAAAAAAGATAGATTATATATCAGATCACGGCTCCATGTGCCAAATATTTCCATATTGATA
CATATTCAATATATGTTCCAACAATGTGACGAAGAATGGAGACGAGAACGATACTTTAATTTACAGTATTGAG
TTTATAATATGGAGATAGGTCAGGTTATGGATCAAATCAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5087 AF036386|Brassica rapa cytochrome c oxidase subunit II (cox2) gene, complete cds

TTTCTCATTGCTGCTCCTCCAGTAGATATTGATGGTATTCGTGAACCTGTTTCTGGCTAGAGCCTCCCAAGTTG
CCCCCTTCGACGCTGCCTCAGCACCCATTGCTATACCATCCTTTGCTCTTATACTCAATGGACGAGGTAGTAG
TAGATCCAGCCATGACTATCAAAGCTATTGGACATCAATGGTATTGGACTTATGAGTATTCTGACTATAACAGT
TCCGATGAACAGTCACTCACTTTTGACAGTTATATGATTCCAGAAGATGATCTAGAATTGGGTCAATTACGTTT

ATTAGAAGTGGACAATAGAGTGGTTCTACCAGCCAAAACATCTACGTATTATTGTAACATCTGCTGATGTAC
TTCATAGTTGGGCTGTACCTTCCTTAGGTGTCAAATGTGATGCTGTACCTGGTCGTTTAAATCAGATCTCCAAA
AACGTACAACGAGAAGGAGTTTACTATGGTCAGTGCAGTGAGATTTGACCTTCTAATGTACGTCCCGTGCCTC

>trans_s_5088 Novel Gene

TGCGACATGAAGACATTGATAGCAATATGGGGGAAGTTCCCATCAGGCAACAAGGGTTCTGCCTGACCCTACT
TAAGCATGCATATTATGTCAGTGAAGACTTGGTGTGAAGCCTTGGAGCTGACGTTAGAAGAGCAAAAGGCC
GGGGCTAGGGTAAGCTGAGGGGGGACAGCGTCAGTGAGCGAATGTGTGTAAGCCCAGTCAAAGATGACTGT
TCTAGGCGGGGCGGGCCACCCACCTGAGAATGGTCTTGGTCTACGGACCGTGAACGGATTGCGCTCTGGCC
TCTGGGTACGTCTCCACCGCATAAGTTCACCGGGGTGGAGCACGGTCCGCCAAAATCGGCATAGGTTAGGTG
CTATTGATGGAACATGGTAAGCCTATCTTTCTCCATATGGAAGTGCTGCGGGCACATAGAGATGTGGGTAGAT
GAAGCCTCAAAAAGCGAAGGCCGAGCTGTAGGTACGTGACCTGCACCGAGTTGGTGGCTGACTGGGCTTTT
TCCTAGATCAAAA

>trans_s_5089 AF104392|Cucumis sativus extensin-like protein (EXTL) mRNA, partial cds

ACAACACTTAAGATTAAGGCTCTTAACCTTAAAATCTATGTTCTATTGCTCTTCAGCTCCTTACTTGC
AAAACCCCTCCTCCTGGCTACACTTGCTCCCTTTAGACAACAACAAATAAGAAAAACAACAACAAAAAG
GGTTGATTGATGTGGTATGGAAATGGAGTCGACATGAGAGGATGTCGATCGAGTCAAATCTTTGTCTCTCTT
TTTTTTTTCGATTATTTTATTTTATTGTATGGAATTATGGCTGATGTTGTAAACCATTTATTTTTAAAATTGTG
ATAGTTATTCGTTGTTTTATGTTGTGTTGTGGATTATTAGGCAAGAAAAGCAAAATCTCAGTTGCCTTTGTGTTT
CCTTATTTATATGTCTCTCTCCTTACCTTACTCATTTTTATCTTTACCAATAATTAAGATCTTATAATTTCAATT
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5090 NM_111934|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT3G10970) mRNA, complete cds

GGGGAATCCCAAAACAAAAGTAGCTTTTCAGCGAATTCAGGCTCTCGAGCCATCGTCCCTTCATCGTAT
TCTTATGGACTGCACTTGACGCAATTTACAAGCTCTACTGCTCCTCTTCATGGACACCCACTTCCTCTTCG
GTTTCCACAGTCCCAATTCGTTTCCAAGCTCAAATTTCCGAATCTAAAGCGTATGAACCTGACTAAACATTCTAT
GGTGGTGATGAGCGTTTCAGGTGCTAGGGAAAATGGTTCCCTGGATAGGTTTCCCTTACCCCTAATAGGCTT
GTCATGAAGGAGGTACTTGGAGCCAAATATGGAGAAGGATTTGAGACTCTTAGACCAGATGGTCCTATGAAA
GTGGATGAGGATTTTTGAACGATAGACTGAAAAACGGTTTCTTACAAAATTATTTATGTTGTGTACCAACA
TGACGCATACAGCTGAATTTCTTGTGATAATGTCCTGGATGATACTCACACTTTCGAGTTAAATGCATGTA

>trans_s_5091 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCTCGTGTTTAGTTGCCAACCGTTGAGGTTGGAACCCTGAGCAGACTGCCG
GTGATAAGCCGGAGGAAGGTGAGGATGACGTCAAGTCATCATGCCCTTATGCCCTGGGCGACACACGTGCT
ACAATGGCCGGGACAAAGGTCGTGATCCCGCGAGGGTGAGCTAACTCCAAAACCCGTCCTCAGTTCGGAT
CACGAGCTGCAACTCGCCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTC
GTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTTACCTTAACCGC
ACTTCTTTTTCGTAATCCTTACTTTAGCTGTGCTGCTGATGCCACCTTAAGGTAGCCGTAAGGAGTG
TATGCTGGATCACCTCCTTTTTCAGGGAGAGCTAATGCTTGTGGGTATTTTGGTTTGACACTGCTTCACACCCA
CAAAG

>trans_s_5092 XM_002882406|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata TMS membrane family protein, mRNA

TGGTCTTCATACAAAATCTAAAGCGGTCTCCGTTGGTACACTTGTCTTGAATGCTCACTACAGTCCTCTCTGT
TATTTATTCTGCTCTTCGTGCTGGATCTTCAACAACATTTCTTCTCCACCATCTTCACCAAGAGCAGGTGGGAG
TAAACCTCTTCTTGAATCAGAAGACTTGGAGGATGGAAAGAACAAAAAACTGAAGGAGAGGGGCAACCTGT
CAGTTACTCTATACATTCTCCACCTAATATTTGCTCTTGCAAGCATGTATTCAGCCATGCTTCTTTCAGGCTG
GACTAGCCTCAACGAGAGCTCAGACCTCATAGACGTCGGCTGGACATCCGTTTGGGTACGTATCTGTACAGAA
TGGGTAAGTCTGCTGCTATATATTTGGTCGCTCGTCCGCCCTCTCCTTTTCCCCGATCGCGAGTCTTTTAGGTT
TGTCATTACCTTCTGATTGTATGTTTGGCATGTTAATATATATTTTCTATAACTATAATTGCTAGGAACCG

>trans_s_5093 NM_001066951|Oryza sativa Japonica Group Os07g0639600 (Os07g0639600)
mRNA, complete cds

AAAAAGAAAAGAAAACTTAGCATCTCGATCGGGAGTTAATTTCTCTTTTCTTGAGTGTTTCATGAATTGCTG
GATGATTGTTGGGGACAATTCTCTCCGTAGCAGTACTGTTATTAAGAACAGATCTTTGTTAAATGGGGTCGGA
AGGGCCTCCATCGGTTACGATTCATGTAACAGGGTTTAAGAAGTTCATGGAGTTTCTGATAATCCAAGTGA
ACGATAGTGAACAATCTCAAGAAGTATATGGAGAAGAATGGTTTGCCAGAAGGTCTAACTCTGGGAGTTGC
AGCATTCTTGAGACTGCGGGGAGGGAGCTCTCGACTTGCTACATAAGACGTTGCAATCTGCTGTAGAGGGG
AAGGGTTCTGAACCTACCAATTCTAGAAGAATCATCTGGCTTCACTTGGGAGTGAATAGTGGTGCTTCAAGAT
TTGCTATCGAACGCCAAGCCTTTAATGAAGCCACTTTTCGTTGTCCTGATGAAATGGGATGGAAGCCTCAGAA
AGTGC

>trans_s_5094 NM_001067174|Oryza sativa Japonica Group Os07g0679300 (Os07g0679300)
mRNA, complete cds

AACGTAATTGGGCTTAAACCTAACACCAGTGTCTCAGTAAGAGACTTGTGGTTGCACGAAGATGTTGAGGGA
GATGCAGTGTTCATCATTTGGAGCAGAAGTTGACCCTCACGACTGCAAAATGTTTCATATTCACGCCTGTAGCCA
CATCCCGTGCTGAAATGTAAATTATACATCCTCAACTGCTTCAAAGCTGGGAAGGATAGCAAAGTCTATAAGTG
ATCCTCCTATTCAAGTATCATTGGTGATAGTTGATCCATCAGACTGAAGAAGTTAATAAATCAATAATTGGCTT
CGCCCCATTTGGCGCATTGTAGCTATTTTGTGCAAGTACTAGTGATGGTTCTGATGGTTCAAATTTGTAAATG
TACTAAACAGTGTTTTTGAAGTACTAAAATATGTGTTTAAATTAAGTACTAGTGAAACACAGGGTAAAGGGA
TTTCAGTTGCTGTGCCTTGGATGATAAAAGATGACTTGTAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_5095 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

GCCTGGGGAGTACGTTGCAAGAATGAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCCGACAAAGCGGTGGAGCATG
TGGTTTAATTCGGCCCCAAAAAACCGAATCTCGTCTCAATCATCATTTGTCAGGACTATTCGGAGTAAGTTCTT
TGGCTTGAGTGAGACATTTAGTCCATGAGCGGTAAGGACGTTCTAGGGGAGAATCTGTTTCGATGGAATAATTT
CTTAGATGTATTGCCACATCCCCAAGGATTAGGACCACTTTTACAGGTCAGTGGAATCTTTATGCTCAAAACC
CCGATTCGAATAATCATTTAAACCATGAAAATCCTTCTAAGGAACTGCCATTCTAACCTTCTCGGTGGATTCC
ATCCGCAAACGCAAAGTTTATGGCTGACTGATATGGCTCATCATCATTTAGCTATTGCATTTATTTTCTTGTTG
CTGGTCATATGTATAGAACTAACTTCGGGATTGGACACAGTGTGACCAGCTCAAATCAAGCACAAGGGTACT

>trans_s_5096 NM_001125678|Arabidopsis thaliana CPuORF48 (Conserved peptide upstream open
reading frame 48) (CPuORF48) mRNA, complete cds

ATGCAAATGCGTTCTTCTCTCTAAGCTTTTACACAAAACCTCTGCCTCCCAATGCGACAACCTCAACATCCTCCT
CCCATGACTTTTCACTTTAACCCTAACTTCTCTCTATATTTTCGACCTGCAAATGTCTTCATCGGAGCCAACCATA
CTTCTGCTCGATTTTGTTCTCGATAATTTTCTACGCTTTCTTGATTCTTTTAGGGTTCTAATCATCGTGTGTATT
TCTCTGGCAAGTTCGAAGGTGACGGCTTCCGCCATGCGAACCTTTCTATCTCTGAGGAATTTCTTTAGGGCACT
CCTTGTTCTTGTTTTCTATTAGTTGCTCATTTTTCTTACGTCGTCGTTACCACTGGTCAGTCTTGTATCACTGGC
AATTTCTGTTTCTCCCCAAAATTTCCAACATATCGAGCCTCTGGATTACATCCCAGAGCATCGGCGATTATCGAT
GGCGCAGCTCCCTCCGCTGAAGAACTGTTGCGTCGTGATCTTTATACTACTAGGAGCTGG

>trans_s_5097 NM_001058375 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0839100 (Os03g0839100)
mRNA, partial cds

TTTCAGAAGGCCTATTCTGTGGATTTTGGACCCCTCAACGTCTTACGTGCTGCTGCTTTTCATGGGGCTAACTAT
ATTTCTCCTCTCAAAAAGAGTATTATTTTCATATGCGTCAGGAGATCAGAGGCTCCCTCTCTTCACTTGAGGGGA
AATGAAAACAAACAAAAAAGAAGTGGCAATTTTGTAGATAGCAACATACAAGTTCTTATGTCAAAAATGAA
TTAGTTTTTTATCCCGTAATGCTATGGAATAAAATTCGTTTGTGTTAGAGAAATTTCTTATATGTTTGCATCAT
GGGGTTTTGTAATTGTTTGCCAAATATGAATGCTAAGAAGTTTGAGAGTTGGAACTTTGATTTGATTAATAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGGCCCCCAAAAATTTATCAAAACCCCCAACCCCGG

>trans_s_5098 NM_001068375 | *Oryza sativa* Japonica Group Os08g0425800 (Os08g0425800)
mRNA, complete cds

AATTCTCAAAATTCGCCGGAGCCTCTCAAAAATGGCGGAAACGCACGACTCCGATGCTCGGAATACCACCGTG
CCTGTTGAGGAAGAAGATGCATCCAGTCATCAATCCAAAGGATTGTCTATTGACGATCAGACCGTTTATGAAC
CTCTCCGCCGTCTGATCGCTGAGATTTTCTTCCCGATGAAATTAAGGGTTCTTTGTTTCATCGCGTCAAGGTCT
CCGTCGCTGATAATGGCCCTGCCGTTGGACAAGCTTGCAGAACTTTGGTCACGACGTTCTTTCTTGGAATCGT
AGGGGCAGTCCTCTTCGAGCGCTCCTTGTTATCTCTGTTGGGACAATTGTTCTTCTTGCAATGACGGGATCACT
CATCTTTCTGTTATTCTTTCTGGCAGCCACTCTCAATGCCATTATTATCTCTCTTCTTGTATCCTTGGCAGCAGTT
GGAGGCTTCTTGGCTCTTTTCTTGTGCTGCGTAACAGCCATATATGTGGGAGCATTAGGAGTTGCTTT

>trans_s_5099 Z11512 | *L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

TATGAGCAAGACCGATTTACCGATCTTCATGTCTTAATTAAGTAAATGACAACGGACACTTTTCTTCTTTTCAA
CTTCTTTCTATTCCGAGACCCCTCTTAATCAGAGTGATTTGCTTTTTTCATAGTGAAAATCGAGTGAATTTGCT
TTTATCGTGAATGAGAGAATCAAAGCCCTCTCCTTTCAGTCGAGCCCTTGTTTCATCGATCATTCTTTGAGCCTCA
CTTCTTCTTCTTCTTCATTCTCCCAAAGCGGGCACTAGCGATCGACGTGAAAACACCCGATCCCATTCGGA
CCTCGATATGTGAAATCGTCTTGCGCCATATGTAAGTGAAGTTCGAGATTGTTTCGGGAGACATGGTCCAAGCCCGCTGAAT
CTACGCGGTCCGAAGGCTCAAAGAATTTGAGAAAAAGAAAGTCACTAGAATGAACTAAAGAGGACGCTCGA
CTGAAAGGAGTCCAAGATTCAAGCTGAAAGTTACGAAGGTACTCGTAGTTTCAGATATAGGTCTCT

>trans_s_5100 EU528875 | *Acanthura mattogrossensis* 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGTCGTGAGGTTGCATTCACCTACCAAGATATCGCTCTACAGATTTTAATCTTTACTCCCCCTCTTCCCCTCACTC
TCCTTTCCCGCTCCGTGGGATTCACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACTCGGCCTGGTCCAACATTTTCGTAT
AGTCAATATAATGGAAAGGCGAAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGGCGGACACCTTTTTT
TGTTATCTAAAGGCTTTGACTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGGCTCCGGCTCCGC

>trans_s_5101 XM_002325288|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP749A1v2), mRNA

>trans_s_5102 AL161556|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 56

>trans_s_5103 EU344901|Datura metel MAP kinase phosphatase mRNA, complete cds

>trans_s_5104 NM_001186983|Oryza sativa Japonica Group Os04g0390100 (Os04g0390100)
mRNA, complete cds

>trans_s_5105 NM_001057485|Oryza sativa Japonica Group Os03g0690000 (Os03g0690000)
mRNA, complete cds

AATTGTAAAGAGGAATTGAAAGATAGTGAAAGATCTGAAGCCATGAACGTAGAGGAGGAAGTTGATCGACT
CAAGGAGGAAATTAAGGCTCGGCAAGCTCCAAGATGATGGTTCTTACAAGGTAACATTTGGGGTGTTGTT
CAATGATGATAGATGTGCTAACATATTCGAAGCACTGGTCGGGACGCTAAGAGCAGCAAAGAAGAGAAAAAT
AGTGACTTATGATGGTGAATTGTTGCTGCAAGGAGTTCATGATAAAGTTGAGATCATTCTCAAAGCCATTCCA
ACAACAGAAGTTGCAACCACTGCAGCTGTGAAGACGGCCTGAGTAGTGATGGATCCATATGTAATATGAAAA
AACAGTGCTGCATCTTCAATTTCTATGTTTTATAATCAATATTGAGTATCACAATTTTCATTTAGTTATATGTTTC
TTAAATTCCTCGTGTTCTAGATATGATATCGTTTGTGAGGGAAAATAATTTATCAAATGGCGGAATTGAATTGT

>trans_s_5106 X53690|Hordeum vulgare DNA for B-Hordein (pcr31)

GTTTGTTACATCTTCAACAACATCTGCATCGACTACATCGTCGAAAAGTGGGAGAAGTCTTTTGGCTTCGTGC
TCATTGCTCTCCTTCTGGATAATGTTTTCCATTCATTTCTTCGCATTATGACCATTTTCAAATCCATTTGTTCCC
GTAGAATAATCCGAGTTCCTATGGTAGCCATTCCCATTTCGTTCAATAATGGTCAATGTCTTCAAATGTTGT
TCTTCATCACTCAAGGTGAAGAGCTTCTCTTCCAACATCTTCAGTTCCTCTAGAATGGACAGCCTTTCTTCTCA
AAGTTCGCCAAAGTTTCTCCAAATAAAGGACTGCCTCAGCTGGGGTGTTTGATTCTCTGTTTCTTGGTTTGA
AAAGAAATCTTCATCTTTCTTGCCTCAGCGTTCAAATCGATAGATAGTCCATCACTATCGTCGGCATTGCTACA
AGAACTGAAGAATTTCTACTCCGGATGCTCCCTTCTTTCTGTTCTCTCAACAATGCAAT

>trans_s_5107 NM_001072861|Oryza sativa Japonica Group Os12g0187800 (Os12g0187800)
mRNA, complete cds

ATTCATTCTCTTTCTTTCAAAGTGAAAAACAGTTGGAAGCCATTTTCCCATCCTTCTTCTTTCTAGAGCTG
TGTTGTTAAAAGAAGATTGAAGAAAAGCTTAGAAAAAGGAGTAATATTCATTATGGGAAGTATTGATAGA
AAATCATCCATTGAAAATGAGCCAAGAAGTCTCAAATGAATCAAATCCAATTTGCAAGAGAAGCAGCACTTT
ATGTGTTAAACACAACAATAAAGAAGCAATGAAGATTTTACAGAGGGATTAAAACAGTGGAATGTA
AAGCAATTATTGATGAAGATAAAGATTCAATAATGAAAAATTGGTACCATGATGAAGAAATTGATGAAGTACA
ACCTTTTTATCACTTAGAGATATTGTCTCTGCCCTTTTGTGTTTTTTTTCTTCTTTTTTTTTCTTTTGT
AAATACACACATGTAAAGGTTTCTGTCTTAATCTTTTAGTGAAAGGAGCAAGTTTTAATTT

>trans_s_5108 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted
repeat, complete sequence; chloroplast

CACCCTCGTGTTTTCTTGCCCAATAACAGACCCAAAACCTGAGCAGACTGCCGGTGATAAGCCGGAGGAAG
GTGAGGATGACGTCAAGTCATCATGCCCTTATGCCCTGGGCGACACACGTGCTACAATGGCCGGGACAAAA
GGTCGTGATCCCGCGAGGGTGAGCTAACTCCAAAACCCGTCCTCAGTTCGGATCACGAGCTGCAACTCGCCT
GCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTCGTTCCCGGGCCTGTACACA
CCGCCCCTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCGAAGTCGTTACCTTAACCGCAAGGAGGGGGATGCCGAAG
GCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAGTCGTAACAAGGTAGCCGTAAGGAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTTT
TCAGGGAGAGCTAATGCTTGTTGGGTATTTGGTTTGACACTGCTTCACACCCACCCCTCTATCTACGTGT

>trans_s_5109 EU494969|Malus x domestica xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 10 mRNA,
complete cds

AGTCTTTTATTCAAATATATGAGGGTGTAATAAAATAGTACACAAAATATGGAACCAAATTCAATATTGTAGAA
ACCCAAACAGCAGCCCATCAAATACTAGTGAATGTTGTAATAGAGAACCAAGAATGTAATGAAACGTGTGA
AATGAAAAAAAAGAAGTATACAGATGCTCTTCAATGTGGATCTCCTATGGCACCTTCTTCTTTTCTATACCCCTC
AAGAAATCTATCGACTGACATCGGTCGTCTATACACAAGAAAATAACCCCCACATGAGACCGAATGCTA
ATGATCAAGCAGAAGCCGATTCTGCCTGTCTGGGTGGCTGTGGTGGTGGATTTTCCCGCGATGGCGTCTTCC

TTTACCAAATGTGACAGGGTCAAAGATTCGGAGTCGTTCCGGCCTCGTCAGGGTTGATCACACACTCTGATGGA
GGGGTCTTGTAGCGGATGCGGTCATAGCAATAGGAGTATGTCAAGTGTTCCTCCTGAGGCTTTCCA

>trans_s_5110 NM_113698|Arabidopsis thaliana MDAR4 (MONODEHYDROASCORBATE REDUCTASE
4); monodehydroascorbate reductase (NADH) (MDAR4) mRNA, complete cds

TACACCTCCGAACACCAATAACGATTAACAAAAAGAGAGAGATGGGAAGGGCTTTCGTATATGTAATTCTCGG
AGGAGGTGTAGCAGCTGGTTATGCAGCCCTGAATTCACCAAAAGAGGTGTCTCTCATGGCGAACTTTGCATA
ATTTCTGTAAGAAACATTTGCACCTTATGAGAGACCTGCTTTAAGTAAAGGGTATTTACTTCCAGAAGCCCCAGC
ACGCCTTCAGCATTCCACACATGTGTCGGTGCTAACGAACAACGATTGACACCAAAATGGTACAAACCAACA
TGGAATTGAATTAGTTCTTGAGACACGAGTAATATCAGCTGATGTTAGGCGCAGGAACTTGTTAACAGCAGCT
GGAGAGACTATTACTTACAAGATTCTCATTGTTGCAACAGGTGCTCGGGCTTTGAAGCTAGAAGAATTTGGAG
TGAATGGATCAGATGCTGAAAACGCATGTTATCTACAAGACCTAAATGATGCAGGCGATCGGTAAC TG

>trans_s_5111 AF412077|Arabidopsis thaliana AT5g02480/T22P11_70 mRNA, complete cds

AAGGGGGAAGAAGAAAAATTAGTTGTTTTTGGTGTTTTTGTGTTGTTGTTGTTGTTGAGAAATGGTTTTTGATG
ATTTAATGAAGACTTGCATCATGGTTGGTTATGGAGGTCACTCATCTTCTGTATTCCTGATGTTTATACCAAAA
GGTACTCTCATTGAAGATCCAATTCCATTTTGCCTTCCTGGGTCATTGGAAATCTAGAAATTACTTTATTCAAT
TAGCTTAGTAGTTTGTTCCTTATTTCTTGTCATATGGGTGAGTTTTTTGATTGAAAAGAAAAAGAAACAA
GGGTAGTTTCTGGAGATCTTGTTGGAATTTTGGAAATTAGAATGGATTTGATGAGTCTGATTGAGTGTTCCT
CCTACGTGTGGAGGATATCAAGAGATTTTAGGGTTAGGGTTGGATATTGTGTTTCTATAGCGTCTGTAAAATC
TGTTCTTAGATAAGGATTTGTGTTCTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5112 AP009376|Nasturtium officinale chloroplast DNA, complete sequence

TTCATTATCACAACAAATAACCTTAATATTTATCAACATATTTTTTTCTTCCATTTGAACTCATTTGATCATTCTT
TTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCAGTAATAAATCTTTAGTTAGAAATAGCATAATTTAAA
CTTTGTTGTATGTTATCACACGTGCCTCTCGACGCGACCCCAGGTCAGGCGGGACTACCCGCTGAGTTTAAGC
ATATCATATTCGCTCCTTCGAGGGGTTATACCAGGGCGAAGCTTTTTGCTGAGGGAGCAACCCATTTTTTAC
TTTGAATTGGTCAAAATATGCGGAATTTCTACTTTTTCGCGGAGGGTTAGATCCAGTAACCGGGGGTCTATGG
TTAACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAAAACAAAAGGACGCGCGGGTCACATGTATAGGACCAA
CTGGGGCATTGGTCATGGTATAAAAGATATAATAGAGGCTCAATTTCCAGGTTTTTGGACCC

>trans_s_5113 GU732452|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D28)
mRNA, complete cds

GGGGAACCTACCTTCCCACAGCAACAACAGCCCTTCACGATGGACCCAACAAATCCTTTTGGGGATGAAGGTT
TTGGAGCATTCCCTGCTCCTAACCAACCATACCGTACCACCGCCTGCAAGCAACCCATTGGAAGCACGGGCCTC
CTGTAGAGCACTCGTGGTACCATCTTCGACGTGTAATTTAGTCAACAGATTTGATTTTCATCATATTTGGCGGGA
TGTAAGGGTTGGTTTTTGTGTTGACGAGCTGCAAGAACC GGTTGGTTTGGGGCGTGCGACATTTGTTTTGGT
TGAAACTTTTCATTGAGAGTGAATAGTGAGGTGTAATAAGTAGTAAATGAAATTCACGACAATTTCAAGTAGC
TTCGGAATACTTGGAACCTGCTGATTTTGAGTGCATTTTCTCATAGAATTCGGCTATATAATTTTTATGCATAC
GTATATAGTTCATCAATTCATCATGTTTCTGATCCTTCATTGTAATGAATTTCTTTTTGTAC

>trans_s_5114 AF036386|Brassica rapa cytochrome c oxidase subunit II (cox2) gene, complete cds

GCTCCTAAAGAAAATACCGCAAAGGATTGTTTCATGGAACACTACTATCGAGATTCTTTGGACCATTTTCCTAGTA
TCATTCTGATGTTTCATTGCTATAACCATCCTTTGCTCTCTTATACTCAATGGACGAGGTAGTAGTAGATCCAGCCA
TGACTATCAAAGCTATTGGACATCAATGGTATTGGACTTATGAGTATTCTGACTATAACAGTTCCGATGAACAG
TCACTCACTTTTGACAGTTATATGATTCCAGAAGATGATCTAGAATTGGGTCAATTACGTTTATTAGAAGTGGA
CAATAGAGTGGTTCTACCAGCCAAAACATCTACGTATTATTGTAACATCTGCTGATGTACTTCATAGTTGGG
CTGTACCTTCCTTAGGTGTCAAATGTGATGCTGTACCTGGTCGTTTAAATCAGATCTCCAAAACCATGTTGCT
CTTCCTCAAATGATACCAGTCACGTCACTCTAAACACCTTCTAATCATGCTCCCGTGCCTC

>trans_s_5115 AY178388|Trifolium repens microsatellite agr1107 sequence

AGGTCAGCTCTTAAGCAAATCAATCACACACCACCAGAAGAAAGAAAACAACATCTCATTTCTACCAAAGAA
AAAATATCAACTCCAATCTTCTCCATAACTATGATCCTTAGAAGTGCTTCCACTCCCCTTCTCAATTCATGGTTA
CACCATTCAAGAGATTCGTCCTTAGAGCCTGAGATTGTTTATCAAATCCCAAATCGCGTTCATTCTCCTCTCT
GGCTCTCCAGTTGTTTATCTCCGATAATCGACGATTACCCTCGGAGGATTACTCGAACGCTTTCCGAGACGGA
TCTTCAGGACCTGTCTATGGCTAAGATGAAACCTTTTAGCAGGACGCTTAGTGGGTTTTCTGAAATGGCCGAA
GAAACTCATGGGGTTGGGTTTAGCTGCTCCAAAACCGCGTCTTGAGCTGTGGGTCGATTTCTGAAACTGGGG
AGGATGGTGGGTTTGTTAGTGTGTTTGGTGGTGGGTTGGTGGTAGTGGGGGANGGAT

>trans_s_5116 Novel Gene

TACTCTTCGCGTAGTGAACCTTTCATCTCTATATTTTACGCTTTTAGAGCAAGGGCGTCTTTGATTATAATGGC
GTGAATTGCATTGAAGGTTGGCAATACTAACGTTTAGCGATTCTCCGTGCCTGGCAAATCTTTGGTTTTGATC
ATGGCCTCGAACAAAGTCGCTACATTCATTCAATCTCCTAATCTTCTGTTTCTTTTCTGACCTTTTTTATGAG
CTAGATTTTTTTTAGTAAAGAATTTTGTGATTTTTGTTTTAACGAAACCTTTACTCCTCGCTGCTTTCAATCAA
GAGCTTTTGAAATGAGACCTGGAAGATTGAATCTGAATTCATACAGTTGTGGATCTAATCTCATACGTTATCAT
GATCTCTGGTAAAACTCATCCGTGAGGATGTTCTTGTATACCTATTTTTTACTGTTTCAGGTTTTTTTTGCTAGG
CTTATCTCTCGTAGATTCTCACTTCGAATTCGATTTCTTAACCATAACCTCCTGC

>trans_s_5117 Novel Gene

CTCGGGTGAAGTGAGTCAAAGCCTTTAGATAACAAAAAAGGTGTCCGCCCCCACGTAGCGGTCGCCAAAC
GGAGACGAGAGTTTCGCCTTCGGCCGCGCCAGTCGCGTAGGGCGACCGGACCAGGCCGAGTCAGAAAGGC
TTTGATGACTCAAGGTGAATCCACGGAGCGGGAAAGGAGAGAGAAAAGAAAAGGGGGAGTAAAGATTTTT
AGCTGCTTCGCTCGCTCCAACAGACAGGCATGGTTCTGTAGTCAAAGCTACTTCGTCACTTTTCGTGTACCCATC
GGACGGCAGCCCTTCGGGGGTTCTTAGGGACCGATTCACTCTGCGTAGATTGACTGAACGCAGAAAGCCTT
CCACTGGCAGGCGATCGTGTTTTTACAGGATTTCTCGTTACTCATGTCAGCATTCTCACTTCTGATATCTCCAG
GTCTTGTCACCAAAAACCTTCCCCGATTGACAGAACGTCCCGCTACTGACACTTGAAAAAGCTGCTTTC

>trans_s_5118 NM_001062037|Oryza sativa Japonica Group Os05g0404300 (Os05g0404300)

mRNA, complete cds

GGGAAACCGCCGATTTGCGCGGAGAATCGGCCGCCTCTTACCGGAGCGATGCCGACGACGAAGACGAGAA
CGTCAAGCAGCTCAATGAATGCTCATCCTTCTACTTATCGTTACAGGATTGTCTTATCAAACTAACAGGAACT
GGAAATCTTGCCAGGCCGAAGTTCAAGCTTTGAAGTCTTGCAGTGAGAGAAGGAAATCTGGCCAACGCAAGT
GAAGATTATTCTGCAAAGGTGCACATATGTAACAAATAATATCTAAGATTTTGTGTTTATCTTGTCTAGATGTATT
TTGTGACCTCTAGAAGCTTGACTGTTCTTGAAGTCTTCCCATTATGTAGAGATTTTCTAATAGTAGGAAGAGT
GGATCGAACCTTCTGCTGCTTCAAGAATGAAAAAGTATGTCAATTACCGCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5119 EF207449|Liquidambar styraciflua inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GTATGTTCTCAACACGTTGACATAGCACGGGTGCCACCCCATCACCCATCGCTTGTCACGCGGAGCGGATAAC
TGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCCAAGATGAGTGCTCTCTATTTGACTTCCCCAGAGCCTCCGG
TAGCACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAG
AGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGAACACGTGTGATGTATGCAGT
TGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACCTTGTTCTACATGACCCGATCAATTCGATTAGGCACTCGCC
ATCTATTTTCATTGTTCAACTCTTTGACAACACGAAAAAACATTGTTCAACTCTTTGACAACATGAAAAACCA
AAAAAAGCTCTGCCCTCCCTCTCTATCTATCCAAGGGATGGAAGGGCAGAGGCCTTTGGTGTAT

>trans_s_5120 GU983666|Malus x domestica apetala 2-like protein mRNA, complete cds

CCAAATTCAGAACAAAGCATGAGGCATTTAAATTTTAGTACACGTTTTATTTGTACGTACTTGATAATTGAAGGT
TTGATTATTGTGATTGTGAAGCAATATTTGGGAGTGGGGGTGATGATCTGGTGCACCACCAACCGTGTGCGG
GCGGCTGAATTGAGATGGAGATTGAATGTGTGTTGGCTCAGCAGCTGCATGGTTTTCACTCTCCAGGTACCGA
TTCCTTCTCTACATTATTATTGTAATTCTTGTTCCACCTCCTCCTCCATTTTCAAATTTAGCTTTTTACAA
TAATAAACATTCATTAATTCCCACTAAATTCAAATGACCCCATATGTTTAATTAATAATATGATAATTTCA
AAAGAATTACCTGAAGAGGCCTAAATCCGTGATTGCGTTGCCAATCAGCTGAAGAAGAAGAAGAAGAATGGT
GTTGTGGACCTATGGAACCATTTTGAAGCTGTCGTTTTGCTTTGAGCTGAATCCCTA

>trans_s_5121 X60008|N.sylvestris psaDa gene for PSI-D2

AATTTTCCAGCGGTGTCAAAGGAATAGCCTTAAATCTTGAGAATGAGAATGTAGGCATTGTTGTCTTTGGTAG
TGATACCGCTATTAAGGAAGGAGTTGGTCAGAACTTCAGGTCTATTGGAAAGAATGTTAGCCCTATTGAGGTT
AAGTTCACTGGAAAACAAGTGTATGATTTGTAAGAAATTTAATCTCTTATGTTCTTATATGCTCTTTTTTTTATG
ATGTCAATTATGAATCATACTCTTATATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAACACAAACCACAACCCCCCCCAC
CCCCAAAAAAAAAAAAAAAAACACCACACCCAACCACCACCCAAACAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5122 AB514116|Alopecurus aequalis AaTUA2 mRNA for alpha-tubulin, complete cds

AAAACAAAGCGAACAGTTCAATTTGTCGACTGGTGTCTATCAATCTCAAATGCGGTATTAECTATCAGCCTCC
AAGTGTTGTTCTGGGGGCGATCTCGCCAAGGTGCAGCGAGCTGTCTGTATGATAAGCAATAGCACTGCCGTT
GCCGAAGTATTTTCAAGAATTGACCACAAATTTGATCTTATGTATGCTAAGCGCGCATTTGTCCATTGGTATGT
GGGGGAGGGCATGGAGGAAGGTGAATTCTCCGAAGCCCGTGAGGATCTCGCTGCGCTAGAAAAGGACTATG
AAGAAGTCGGAGCAGAAGATGTCGATGAAGAGGAAGAAGGGGAAGATTATTGAACCCGTGGGCGGCGGCG
CGTTTCACACGCTCCCCCCCCCGTTGTTTTGTGTTTGTCTTGTAAAGTCAAGTTGTGCAATGTTTCATACAT
GGTGATATATCTGAAGGTGTGGTTCTGTTCTTTGTACGATTCTGGGGTCTGTCAATCTATTG

>trans_s_5123 NM_001065603|Oryza sativa Japonica Group Os07g0185900 (Os07g0185900)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGGAACAATTGTATTTATTCTTTATTTATAACAATTCACCATATCGAT
TGGCATGTGTAATGGCATGCACAATTCATAAATTACACAAAAAGAAAAGAAAAATCCCTAAATCGAATCAAAA
TCATCAAAAATCCGCCGAATGAAACACATTCTCTGCATCAAACTCCCATCCGTGGCCATCGTCTTCATTCCATA
TGCCGTAACCAGCTCCGTTGAGTGTCCGCCGTGACGGCCCGCTCGTACGCCTGAAAAATCTGGTGCAAATAA
TGTTGGTGATGGTGGTGGTCGGAGTCGTGATCGGATGGAGGATGGTAGTAAAGCCGAGCAGTTTGAGGACA

GTGAGAGTGAAATCTCGCCGCCATTCTTACTCTACATCCAACAATTCAACGAATTTCCCCATTGGTCGGACTTT
CTCTACTTTTGATTTTTTGGTTTTGTGATGATGAGAGAGAAAGGGAATGGAGAAGAT

>trans_s_5124 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

CTTTCTCTGGACCAATCCTTATCGCCTCGAGAGTTTGCTGAGCTTCTTGTGGATCAATGTCACTAGCCTTCTCCG
CATCATTTACTAAAATAGTGACCTCATTATTGCCTATTCTAGCAAAACCACCCATCAGAGCCATCGTTAACCATC
CATCATTGAAGACGGAATACGCAAATGTTTATGTCGCATCTACAGCTGTGGCAATAGGTGCGTGATCTGGTAA
TACACCAATTTGGCCACTATTGCTAACTAAAATGATTTCTTTCACTTCTGAATCCCAAATAATTCGATTCCGAGT
CAGGACACTAAGATTTAAGGTCATTTCTCAATTTGCTCTCCATTTCTAAGTTCGTAGCCTTCGCAGTAGCTTCA
TCGATGTTACCTACCAAATAAAAGGCTTGTTCCGGAAGACCATCTAATTCTCCGGAAGGATTAATTTAAACCC
TCTAATTGTTTCTGCTAGGCCAACGTATTTACCCGGGAACCGGTAACCCGGGACT

>trans_s_5125 EU017282|Trachelium caeruleum photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,
partial cds; chloroplast

TTAATGAAATCCGTTTTTATGTTATTTCTGACTATGCAATTCCTTTGTTTGTGGGATCATTTTCTCACGAGAGGT
AATTAAGAAATTATAGAATGGGGTTGTTACCGATGCCTAGATCTGGTGGGATAAATGGAAATTTTATCGAT
AAGACCTTTTCAATTGTAGCCAATATCTTATTACGAATAATTCCGACAACCTCCGGGGATTTTGAATGCCACCC
TTAATGTCTCTTGGGATGTCGGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCGGAAGCTCTACAGAATTATTATGAAGCTA
TGCGACTAGAAATCGATCCCTATGATCGAAGTTATATACTCTATAACATAGGTCTTATCCACACAAGGAACGG
AGAACATACACCCTGAAACCTTATAATAAAAGCCCGTGAAGAACGAAACCCGTTCTTACCACAAGCTTTTAATA
ATATGGCTGTGATCTGTCATTACCGGGGAGAACAGGCCATTCGACAGGGAGATTCTGAAA

>trans_s_5126 GQ998311|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit K protein (ndhK) gene, complete cds; chloroplast

ACTCCTGTTTTGATAGAGTATGTATTGAGCCTCGGGTTTAGGCGGACAACCCGGCAAATACACATCGACAGGA
ATTAACCTATCGACTCCCCGAACAGTACTATAAGAATCGGTACTGAACATCCCTCCTGTAATTGTACATGCTCCC
ATAGCAATAACCTATTTTGGTTCAGGCATTTGCTCATATAATCTTACTAAAGAAGGAGCCATTTTCTATTGTTACC
GTACCCGCTGTTAAATTAAGTCTGCCTGTCTAGGACTAGATCTTGGTACCAGTCCATAACGATCAAAGTCGAA
TCGTGAACCTATTAATGAAGCGAATTCAATGAAGCAACAACCTGGTACCATAGAGAAGCGGCCATAAACTGGA
GAGTCTTGACCAATTTGAAAGATCATTTAATGTAGTTGAAATAACTGAAGTTTGGGTTGTTTCGATCAAGTAAG
GGAAACTCGATGGAATTCATAACTGTCTCAATGTTTTTTTATAACAGACTTATAAGTTT

>trans_s_5127 EU017282|Trachelium caeruleum photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,
partial cds; chloroplast

TCAGCGGCTTGATTGAACCAAGCCTCCGCAACTTCAGAATCTCCCTGTCGAATGGCCTGTTCTCCCCGGTAATG
ACAGATCACAGCCATATTATTAAGCTTGTGGTAAGAACGGGTTTCGTTCTAGTGCCCGAAAATAATATTCCA
AAGCTTTTGTATGTTCTCCGTTCTTGTGTGGATAAGACCTATGTTATAGAGTATATAACTTCGATCATAGGGA
TCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAATTCTGTAGAGCTTCCGCATAATTTCTTCGGATTGAGCCGACATC
CCATCTCTGTAATAGGTGAATGCCTCTTTTTCCCGGAAGTTGTCGGAATTATTCGTAATAAGATATTGGCTAC
AATTGAAAAGGTCTTATCGATAAAATTTCCATTTATCCACCAGATCTAGGCATCGGTAACAACCCCATTTCTAT
AATTTCTTTTGTCTGTCAATCCTTACTATGTCTGGACCTGGTAAGTTTCCCGTGTT

>trans_s_5128 NM_129564|Arabidopsis thaliana protein binding / structural molecule
(AT2G40060) mRNA, complete cds

AGCAGAGAAACATTCCCGCGGAAAGATTGATCGGCTGTTGACCGTCGCCGGAGGAAGAAGCAGAATACTCC
GACGCCATGTCAACCTTCGCCGGAACGTCTCCTCCTCCGTTTCAAGATGCCACCATCGGATTCGATCCTCGCCT
CGCTTCTCAAAGATTTGAAACCTTTTCAACTTTCCAAGCCGAGTCCGCCGACGACTCCTCACCACCTTCGGAA
ATCTGCCCTACGACCTGGGAGACGACCTTCCGCCGACTCCGCTACTAATTTCTCGGCGGTTGGAGGATTCTC
GAGTTTCTCGTCGCAGCAGAACGGGAAGGGTTTTGATGGAGGTTTTGGCGAATCGGACGGCCCCGATCCTCTC
GTCGCCGACGGCGATGGAACCGGAGGAAGGATTTCTTTGAGAGAGTGGCGGAGATTGAATGCAATTGATT
GGAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5129 Novel Gene

TACTCTTCATCTTCATCGACAGAGGCTGAAGGATCGACCGTCTCCATTGTTCTTCTAAGGCAAACCTGTTCCG
CCATCGACAATGAGAGCTAAGTGAAGAAGAAGCGTATGAGGAGGCTCAAGAGAAAGCGCCGAAAGATGA
GACAGAGGTCTAAGTAGTTGCAGATATCAGGAAAATGATCGAGCTTTCTCCTAAGAGTGGCTAATATCTCCAT
TGTTGTCTTGCAATTATTTGCTTGAAGGTGTGGAGGGTTGTAGTTTTGTTCTTATGAAGATAGGTTTACACCATTT
CCTGTGGTTTTTATTACTTTGGACAAACCTATATGCGCTGACTCGTTTTCTTCTTAAGATTTGGTATAACTTATAT
TATGCTTTTAATGCTTTTCCGAACCTGTTTCCGCTATTTAATAGCCTTTCTATTCAAACCTGAATATCATTGTGTTG
CCTTGTTAACGTGTCGATTGGTACCTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5130 AJ344266|Carya mexicana chloroplast partial mRNA for photosystem1 subunit A
(psaA gene)

ACTCAATTGCTCAGGTCCACAAAATTGGCTTGGTTCCAAAATGTAGAATCCATGTTGAATCACCATTTAGCGGG
TCTCCTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGCCATCAAGTCCACGTATCTTTACCGATTAACCAATTTCTAA
TGCTGGAGTAGATCTAAAGAGATTCCACTTCTCATGAATTTATCTTGAATCGGGATCTTTTGGCGCAACTTT
ATCCTAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCATTTTTCACTTTGAATTGGTCAAAATATGCGGAATTTCTTACTTTTC
GCGGAGGGTTAGATCCAGTAACCGGGGGTCTATGGTTAACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAAT
TCTTTTCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACCACTGGGGCATTGGTCATGGTATAAAAGATATTTTAGAG
GCTCAATTACCAGGTTTTTCAGTAAAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGC

>trans_s_5131 FJ606761|Capsicum annuum xyloglucan-specific endoglucanase inhibitor protein
mRNA, complete cds

ACCCAACATCGACTTAACAAATTCCTTCACCTACACCCCGCTCTTCATCAACCCCGTCAGTACCGCTGGCGTGTC
CTCCGCCGGAGAAAAATCCACGGAATATTTATCGGCGTTACCTCCATCGTCGTTAACTCCAAACCCGTCCAC
TCAACACGACTCTTCTGAAAATCGGCAGCAACGGAAACGGCGGAACCAAAATCAGCACCGTGAATCCATTAC
CGTACTAGAATCTTCAATATACAAAGCGTTGGTGAAAGCATTACGACAGAGGTATCGAAAGTGCCGAGGGT
GGCGGCGGTGGCACCGTTCGAAGTATGTTACAACCTCAAAGAGCTTTCCGAGCACTCGATTGGGGGCGAGGAT
ACCGACGATTGATTGTTTTGCAAAACAAGAAAGTGATTTGGAGCATATTCGGTGCGAACCTCGATGGTACAG
GTAAACGACGATGTATTGTGCTTGGGATTTGTAGACGGAGGGGTGATGTGAGAACCGC

>trans_s_5132 NM_001187287|Oryza sativa Japonica Group Os05g0146900 (Os05g0146900)
mRNA, complete cds

ATAAGAGAAAGAGAAAGCCATTAGTATTCTCTCTTCCGGAAGTCTCAGTCAGAGTTCAAAAAGGGAAGGTCTT
CTTTCTCCATTCTTCTTGGTGCTTTCTTTTGGTCTTGAATATCAGAAAAATGCATTGATTAGATCTCAATCGAT

TTCCTTTTCAGCCTTTAGTGAGCATTCCACTACATAAGTAAGAAGAAGACGAAGCCCGATCCCACTTTTCAGGCT
TGAGGCTAGTTCACCTCGGCTAGTTGAATTAGGATAGATGGACCTCCTTCCCTTTACAACCGCTACGCTGGTCAC
TTGTCGGCTAATAGCCTCACTTCCATTTCTCTGACCTGGGAAATACGTGTCAATCATGACAATCCCAATAAAAA
GAGAAAGAAGCCAAGCGAGAGGTGCGACGAACTCTAATCGTGATATGAAAGCAAGAAAGAAAGACCCGGATT
CAAACCTAGGGTAAAGCTGGAAGGGAAAAAAGAGAAAATGAGACTCATCAGAATT

>trans_s_5133 AJ312773|Cucumis sativus mRNA for MADS1 protein (m1 gene)

ATTCTACTGTCTTCACATTTATTCTTCCGCCGTTTCGTCGACGCTTACCTGACAGAGATCACTCGGACTTTTTTTCG
ATCGTCGCCATGAGAGCTAAGTGAAGAAGAAGAGAATGAGGAGGTTGAAGAGAAAGCGCCGAAAGATGA
GGCAGAGATCGAAGTAGTGGCCGTTTTCTGAGGGATGGTTTCCGACCTAGGGTTTTGGTTACTCTTTAGTTTT
ATTTTTCTCATGCGTAACTTGGGTTGTTTTAAATTGTTTTCTGATCGATACATTTTGTGTCTTGAATCCAGAAC
TTGTTTTCCAGCCTTATAGTTTTATCTACTGATTTTTATATGCTATATATTGTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGGCCCCGAAAAGTTTTTCAATCCCCCAACCCCG

>trans_s_5134 AF233594|Cucumis melo ascorbate oxidase AO4 mRNA, complete cds

ACCTCGCCGCCATGAAATTCAGGCTAAGCACTGCCTTCAACCAAATCCGCCACCAGAAACATTCCCAATAGAC
TACGACATCAACAACCCACCGCGGAACCCTGAAACGGCAACTGGCAACGGCGTTTACAAGTTCAATATGGGG
GAAACGGTAGACGTGATTCTACAAAACGCTAATATGTTAAACGCCAATACGAGTGAGATTCAACCTTGGCATT
TGCACGGGCATGACTTTTGGGTTTTGGGGTATGGAGAGGGGAAATTTCCGCCGCCGAGGATGGGAGGAAA
TTGAATTTGAAAAACCCACCGTTGAGGAATACAGTGGTGATTTTCCCATATGGGTGGACGGCGATTGATTG
TGGCGGATAACCCAGGTGTTTGGGCGTCCCATTTGCCATATTGAACCTCATTTGCACATGGGAATGGGAGTTAT
CTTTGCGGAAGGAGTTCATAAGGTAGGAATGATTCGCCGAACGCAATGGCTTGTGGCAGT

>trans_s_5135 XM_002303510|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP76F4), mRNA

GACTCAAATTCTTGTGAATTTATGGGCTTCATGTAGAGACCCAAATTTGTGGGAAAATCCAGACGAGTTCATA
CCAGAAAGGTTCTTGAAAGTAAAGGAAAAAATTTTGAGTTTATCCATTTGGTAATGGGAAGAGGACTTGTC
CTGGTCAAGGAATGGTAATGAGGATGTTGCATTTGATTGTTGGTTCTTTGATTCATTTCTTTAATTGGAAGCTT
GAAGATGGAGTCACGCCTGAGAATTTGAATATGGATGCAAAGTTTGGTCTTACTCTTGTCAAAGCTCAACCAG
TACGAGCTATACCTCTTCTTATCTAGGATTTAATTTACATTTCAAACCTTGTATTCCCATTTTCTTTTCATGTTT
ATTTTAAGAAATAATTAGTTTATCTCGAACAACCTTTATCATTATTTAATCCAATAATTTGTAAGATTGTAACCTA
ATCATGTGGTGAATTTGGTTTGCTTTGCTTTTTTTGAAATATCACTACCTT

>trans_s_5136 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

AAAGTAGGATTTCTTCTATTCTCGTTTTATTTGAGAATTGAAGGATTTTTGATTGGCTGAGTTCAAATCAAAGA
AAGGTTTTTTGACCTACTTTATGTTATTAATTTTCCCTTATCCCTTATATCATAGCAATAATAGGGGATTAATAA
CTCAATCAAATCAAAAGAAATACAATTATCTCAAGAACAAGAAAAAATTTGTTATGCTTAATATCTTAAG
TTTCATCGGTATCTGTCTTAATTTCTTTTATTCAAGTAGTTTTTTCGTCGCCAAATTGCCCGAGGCCTACGCT
TTTTTGAATCCAATAGTAGATGTTATGCCAGTAATACCTCTATTCTTTTTTCTATTAGCTTTTGTGGCAAGCTG
CTGTAAGCTTTTGATAATATTTTAATACTGTCCGAGACAAATTCATGATTTACTAAATCCGGATCTCTTGGTTC
TGGCATCGATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATAAGATATGTGGGC

>trans_s_5137 FN677566|Punica granatum microsatellite DNA, locus PGCT046, cultivar Mollar

CCTCATCTCTTTATTTTTATTTTCTCTCTCTCAACCCCATGTCTCAAATTCACAAATCCGATCAAGAGAAGGTAT
TAGAAACCCCAAAGGCACTGGAATACGGTGATCGAAGCACGGAGGAAGGTAGCGGAGAAGCACTTAAGGCA
GCGGAGGATGATGAAGGAGAGAGTTGTGCAACACCAACATCACTCCGACATCGAATCCGATCGCACAAAGC
TGCCCGACGACACCAAGAAAGCAGAGAGTTGCGAGAAAAGAGGAAAATTTCTGACCAAAGCTTCTTTGAGGCC
ACCGGAAGAGGAGAGGTAGAATCCTTGTGGCTATTTTATAGGGTTTCTTCTTCTAAAAGAAGGTGTACAA
GTGTATAAAACCCTGAAGTGTTTTGTGTATTACATATGTATACATATATACACGGTTTAATTACAAGTTTGAT
CTATAACTTTTCAAGGTCTATCTATTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5138 XM_002324035|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

ATATCAAACAAAGGTGTTTACTTTGTTGCAATTGCATTGAATATCTTGCTAAGACTTGCTTGGATGCAATCAGT
ACTTGGTTTTAGAGAAGCTCCATTTATTCATAGACAAGCCTTGATCGCCATTGTGCGCGTGTTGGAAATCATT
GACGAGGAATCTGGAATTTCTTCAGGATGGAGAACGAGCATCTAAACAATGTGGGGAAGTTTAGGGCATTCA
ACTCTGTGCCTCTTCCATTTGAATACAACAACAATTAGAGATGAAAAGTCAGTTTTGAGTTATGAATTACAAC
AAAGAAGATACATAGTATTATATGAACAGTATTGATATGCATTTGTTATTATATTATATCATGTAGAGAGCAAC
ATCAGATGAAGCCATAATATTACATCAAGTCAACTAATTGTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5139 AY101532|Arabidopsis thaliana AT4g12340/T4C9_180 mRNA, complete cds

TTTAACTGAGAGCTTCACGCTAGGGCTTGAGTTCACATTCCAGCTTCCAATCTGCTGCAGACGGAGCCGT
GCTTGTCAACGGTAGTCTGCCTTAGAGCAAATGGGTGATTTTTCCATTAGATTAGTTCAAACCTTGTTAATA
TGTTAATTGATGATACTGATAAACCGAAAAGAAAACCGAGAAGAAACAGATCCAAGGTACCCAAGAAAGTA
AAAAGCCCCAAGTAAAGTTGATCAGAAAAATACATCTGATGATTCTGGAACGCTCAAAGGAAGCACAAAGTG
ATGGATGGCCACCAACCTCCTCCACTCTCCTCCTATAATTCCTCCTGTGCATCCCGCCAATGCAGAGCTAG
ACGCAATCCGATCCGTCCTGCAAGAGAGCGAAAGGGTTGTGGAGAAGTTACAGAAGCAGGAGGACAACATG
CTGAAGGAAGTTACTCAAAGGGCGAAAGACCTCCATGACAAAGAGTTCAAGCTCCCTTA

>trans_s_5140 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

AGGGGTATGGGGTTCGAGACAAAGAAAGATCAAGGCAGCATATCAGTTTTTCCTTTATACTTTACTGGGATCC
GTTTTGATGCTATTAGCTATTCTGTTGATTCTTCTCAAACAGGAACACCGATTTACAAATCTTATTAACCACA
GAATTTAGTGAGCGGCGCCAAATCTTTCTATGGATTGCTTTTTTCGCCTCTTCGCCGTCAAAGTGCCTATGGT
ACCAGTTCATATTTGGTTACCCGAAGCTCATGTAGAGGCACCTACGGCAGGATCTGTATCTTGGCAGGAATT
CTTTTAAATTGGGAACCTACGGGTTTTTAAGATTTTCAATACCCATCTTTCCGAAGCGACACTTTGTGCCACT
CCTTTCATTTATACTCTAAGCGCGATTGCTATAATATATACTTCCTTGACCACTTAAAGACAGATCGATCTTAAG
AAGATCATTGCTTACTCCTCAGTAGCCCATATGAATCTGGTGACTATTGA

>trans_s_5141 NM_115589|Arabidopsis thaliana EIF3E (EUKARYOTIC TRANSLATION INITIATION
FACTOR 3E); translation initiation factor (EIF3E) mRNA, complete cds

AATGTTCTTGCTGAGAAGTTGAACTTAAATTATGAGGAAGCTGAGAGGTGGATTGTCAATCTTGTTGCGACCT
CAAAGCTCGATGCAAAGATTGATTCCAAGACAGGAACAGTTGTAATGGAACCAATCCAGCCGAACGTATATG
AAGAACTGATAGACCACCAAATCACTATCCGGGCGCACTTACAAGTTAGTCACTCAACTCTAGAGCATGC
ACAGGCTCAGGCAACCAGATGAATTTTAGGTGTTGGGCCATTTTTTGTATATCTATATTTTATGAACCACTCAT
CTCACAACAAAACAGCAGAGAATCAGAGCAAGATTTCCATATTTGATTTCCTTGTTTTTAAGGAAAATGATATGT
AACGCTCCATAGTTTTTGTAATTTTAATTGAATGTAGAATTATGAATTGATTATGATGTTTCCTTCAAACATGT
CGAATTAATTTTAGGCTGTCCTTTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5142 NM_001060755|Oryza sativa Japonica Group Os04g0671700 (Os04g0671700)
mRNA, complete cds

GCTAAGAAGCCAGTTGCTTCTATCTGCCATGGACAACAGATCTTATCTGCTGCTGGAGTTCTTCAGGGGAGGA
AATGCACGGCTTACCCAGCCGTGAAACTGAATGTGGAATTGTCTGGAGCAACATGGTTGGAACCTGATCCAAT
CGACCGGTGCTTTACCGACGGTAACCTTGTTACTGGAGCAGCTTGGCCTGGCCATCCTCAGTTCATTCGCAGT
TGATGACACTTTTCGGGAATCCAAGTGACATTTTGATCCTAGCTTAACCAGGAGAGTTCATGTTGAACTTATTAC
ACGAGCACGTCTAAATAAACACGATAAAAAGAAAGCAATAAATGTAGAATAATGTTTTATGTTTTGGATACGC
CAACACCCTGTATTTTCTATTCTGGAAATGTTGTGTTGTAGCTTATACAAATGTTAATGTTTTGGAAATCTCT
ATCCTTTTCTTAGTTTTCAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5143 AJ871580|Glycine max mRNA for beta-amylase (bmy1 gene)

AATTATGGAGGTTTCAGTTATCGGAAAATCTCAGGCGAAGGTCGCTGGAGCCGATTTTGGTAACAGAGAGTT
AGGGTTTTTCAATTCCAAAGTAGATAGTAAGATTTTGGTTCGAAGTCGAAGATCTGTTTCGTGAGGAGTTCCG
AGGTGTGAAAGGTCAAGAATCCGTTTAACGACGAAATCCGTGCAGATGGAACCAGCTCAATCTCAAACTCA
AACGTTGGAAGAAGATCCAATCTCTTGAGGGGGTGAAGTTGTACGTTGGTTTGCCTTTAGATGCAGTTTCTA
CCTGNCATGCAATTAACCATTCGAGAGCAATTGCAGCTGGCCCTTAAGCTTTGAAGCTGCTTGGTGTAGAAGG
TGTCGAGCTCCCGGTGTGGTGGGGAATCGTTGAGAAAGAAACCATGGGGAAATATGAATGGTCGGGCTATCT
CACCTTGCGGAGATGGTCCAAAATGCAGGTCTCAAGCTACATATTTCTCTTGCTTCC

>trans_s_5144 NM_116131|Arabidopsis thaliana GATL7 (Galacturonosyltransferase-like 7);
polygalacturonate 4-alpha-galacturonosyltransferase/ transferase, transferring glyco> (GATL7)
mRNA, complete cds

AGGCAGTATCAACAGGCAAACGAAGGTAAAAATCAAGATGAGAGGACCGAATAGCTTCGGCGGGAGGAAAT
GATTGTAAAGCCGGAGCAAGCACAAATCATCACCATTGCGGCGGAAAAAAGCCCCGATAATTTTCATCAACCAA
TCATATTCACACTATAACCCCTTTTCTCTTTTCTTCTCCTCTTCCACTTGAAACCAAATCGATCAACCAAATG
GAGAAAAACACGTTCTGAAGGAACGCTAGGGTTCCTTTAAAGTCCTCCAGAACTCTCGAGAAATCAATACATG
GAGAAAGAAAAACACAACAACAATATTAAGCCCTAAACGAAATGGAATCGATCTTTTCTCCTAGGAGA
GCGTATCAGAGCGAANAAGTATGCCGTGGGAACAAAGCAAGCAGAGAGAGGATAAAAAAGCAAAAAAAAAA
AAAGAAGTGGAAGAAGAAGAAGAAGAAGACGACGACGACGAAGAAGAAGATATGTTT

>trans_s_5145 AY106965|Zea mays PCO085091 mRNA sequence

TTTTTTTTTTCAGAAATGTGGAAGCTGAGAGAGAGTTGAGTTGATTCAAGATGTGGGATTTGAGAGAGAGAG
GAGGAGCATGAGGGAAAATGATGGAGAAGGGAATATGAATTATATTTAGTTCTCTTCTCATGGGTTTGAAA
ATTCAATGTCTCCATTCCATTAGTTGAAAACTTGTAATGGTGGTGGAAGCAATGGAAGAAAGGATGGATTG
TGATGGAAAGGCAAGAGAGACAAAAGAATGTTTGTGGAGAGGTATTTCTAGCATTTATGGCCAAAATTATGG
TCATAATGCCACACCTCCACAATAGGATTCTAAATTGAAAAAGTGAAAAAAGAAAGGAGACAAGTTTTGT
ACAATTGATTGCAACCTCTCTAGTCTTTTACCATGTAAAGTCTTCAAACTAACATTCAAAAAATTGAGCTTCT
CATTCTTCTATCCAATATTTGATTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5146 BT001992|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

ACACAAACAAAGTAATAGAATAAAAGTACATTCTGATCTAAACAGTGGCTGGCGGCGATGGAGAAATCAGC
GGCAGCGGCGGCGAGCGATTCTCTGTTTATTGTTACTTTCTGCGGAGGCGGTGGTGACGTTTCGGCAGATGCT
GCGGACTGCATCGACGCCTGTTTCACTGCTTGTGTCCAGAAAGACACGAGGGTGATGCAGCGTTGTGAGGGG

AAGTGTAGAATCAAGTGCGGTCCAGATAACAAAGTTGATGAAAATATTGCATTGGTGAGACAGAATAACAAA
TGCGGGTAAGGTGTGAATGTTGTGAGAAATCTCACTTTGTTTCTTATGTTGTAATAAAGAAAGTAATCTCGAG
GGAAAATAGTTTATGTATGTTGTAAACAAGTGCTTCTTTGTTCTTCTAGATGTTTGTGAAAGCTATATGTAAAG
CATTTTCTAAATAAGTGCTTCTTTGTGTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5147 NM_001064287|Oryza sativa Japonica Group Os06g0523300 (Os06g0523300)
mRNA, complete cds

TTCCCTAATCCCTCTCTACCATATTCCCCTATAAAAACCCCAACCCTTTCCATCACCATTTCGATTTCCAAGAAA
GATCCAAAGAAAGAGACCCGACAGCCAGCAAAGAAGATGAGCGGAATAATGAGTTGCGCCGATGCTGCTCG
GTGCTCGATGATCGGGTCGGAGCATCAGCAGCGATCGAGCAAGGCGTTGGATCAGTTTCAAATGCCTCTTCAT
TACCCAAGGTACAAGAGGAGTGACTATGAGGGCATGCCGAGTGGAACCTTGACTGCCTTCTTAAGAATAT
GGTCTACCGATCGTCGGAGATGTTGCCCAGAAGCGAAAGTTCGCCATGGGAGCTTTCCTTTGGCCATGTGAAA
TGTAAGTAAATCATATCAAGAACTTTAACTCTAACTACTTAATTAATGTTAGCTACTTAATTGTTATGTGTAT
GTGTTTTGTGTGTGATTGAAGAACCTTTAGCTTTGGTAGCTTAATTTTAGTT

>trans_s_5148 FJ755460|Carica papaya GMP gene, complete cds

ACTTGGGGCATGGACCACCGTCGGACAATGGGCACGTGTAGAGAACATGACAATACTAGGTGAAGACGTTCA
TGTGGGTGATGAAATTTACAGTAATGGTGGAGTTGTCCTGCCGCACAAAGAAATAAAATCTAGCATTTTGAAG
CCTGAAATAGTAATCTAAAGGTGTGTATTTTGCTTGTTAGTTGAATCCCTTTTTGAGAGCAGCAGTGCTTACTT
AACGTTGTCGTTATTGAATTTTACTAGTTCTTTTCTTTTTTTTTCCCTCTTCATGGGCGCAGCATAATGTCGGTG
TCTGCTAGTTCAGGTTCTATGTTGAAGGGTCAATCTCCTTTATCTAAGGACATTTCTTGTCATGGTGTACATACAT
TTACATTGTAATATTTTGTGTATATAGGAAAATAATTATCCATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5149 DQ320569|Cucumis sativus acid alpha galactosidase 1 mRNA, complete cds

GCTGGGCTGAGATAGCTCGTGATGATAAGGGTAATCTGGTGCCGAAGAATTCAACATTTCCATCTGGTATGAA
GGCTCTTGCAATTATGTTACGCAAAGGGTCTTAAAATTGGAATTTATTCAGATGCTGGGTATTTTACTTGCA
GCAAAACCATGCCCGCTCTCTTGCCATGAGGAGCAAGACGCCAAACTTTTGCTGCATGGGGGATTGACT
ATTTGAAGTATGATAATTGCAACAATGGTAACATTAAGCCAATATTAGATATCCAGTAATGACTCGGGCACT
GATGAAGGCTGGGCGTCCGATCTTCTTATCTCTTTGTGAATGGGGGGACCTGCACCCTCCTTTGTGGGGCGAC
AAGTTAGGAAACAGCTGGAGAACTACTAACGACATCAATGATTCATGGGAGAGTATGATATCTAGAGCAGAC
CTCAATGAAATATATGCTGATTACGCAAGACCCGGTGGCTGGAACGACTGGAAAC

>trans_s_5150 U81289|Pisum sativum NAP1Ps mRNA, complete cds

GAAACGGAAAGCGGGTGGGGATGCTCAGCAGGGGAGAGGCCTCCAGAATGCAACAGCAGTAGAAGTGA
ATTCGATTGGTCGGTGAGACTGTCTTGTCGTCGTCCTTTGATAGTCCGCTGTACAAGTAATTTTGGTTGG
AAAGAGTGAGGGGAGGGAAGGGGCTAGGGGAATGGGTTTGCAGTTTCTATGGGTTTCATCTCTCTATTGTCT
ATGATTTTACTTCAAATTTTCTTCTATGCATTCTGGTACTTAAAAAAGGGGATTTAGGAGAGTCCATTCCT
TTCCTTTATTAGTATTATTATTTTTTTTCTTCGATTTGTCGCTGCTTGTGAAGAGAGGGGATGGGTTTTTGT
CTCTGCTGCGTCGTCGTTGGGGAAGAAGTTGGGGATTAGTTTCTATGTGAAGTTGTTACATTTATTGAACCTG
TTTACAACATGTTTGTTGCTTTTATTATATATTGAGATCTCTTTAGTTT

>trans_s_5151 NM_118041|Arabidopsis thaliana ATRLI2; transporter (ATRLI2) mRNA, complete cds

TTGTGAATCTTTCTGGAGGAGAGTTACAGAGAGTCGCTTTGTGCCTCTGCCTTGAAAGCCTGCAGATATCTA
TCTGATAGATGAACCAAGTGCTTACCTTGATTCTGAACAGCGTATTGTTGCTTCAAAAGTCATCAAGAGATTTA
TTCTTCACGCAAAAAAGACTGCCTTTGTGGTTCGAACATGATTTTATTATGGCAACTTATCTCGCAGATCGTGTT
ATTGTTTACGAGGGTCAGCCATCAGTTGATTGTACTGCTAATTGTCCTCAGTCGCTGTTGACTGGAATGAATCT
CTTCTTATCTCATCTTGATATTACATTTAGAAGAGATCCAACAAATTACAGGCCACGAATTAACAAGGTCGACT
CAGCGAAGGATCGTGAACAAAAGTCAGCTGGCTCATACTATTACTTGGACGATTAAGAATTTTGCGGGTGCA
GAGGCTGGTTTTTTAACCTAATAAAGAGCAGAGCACGGGGCGAAGCTGAATC

>trans_s_5152 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GGAACACGAATATCCCTTGAGAGGTGGAAGATTCTCGTTCTTCTATTTGACCCGAAACCGATCGATCTAGCC
ATGAGCAGGTTGAAGAGAGCTCTAACAGGCCTTGAGGACCGAACCCACGTATGTGGCAAAATACGGGGAT
GACTTGTGGCTAGGGGTGAAAGGCCAACCAAGATCGGATATAGCTGGTTTTCCGCGAAATCTATTTACGCGA
GATACGCAGCACGCTACGCCCCAGGTAGAGCACTCAATGGGCTAGGGTGGCCCCATTTGCCTTACCAACCCC
AGGGAACTCCGAATACAGGCCTAGATCGTTTGTACAGACAGACTTTTGGGGTGCTAAGATCCAAAGTCGAG
AGGGAAACAGCCCAGATCGTACGCTAAGGTCCCTAAGCAATCACTTAGTGAAAAAGGAAGTTCTCGAGCGAT
GACAACCAGGAGGTGGGCTTGAAGCAGCCATCCTTTGAAGAAAGCGTAATAGCTCAC

>trans_s_5153 NM_001056789|Oryza sativa Japonica Group Os03g0386000 (Os03g0386000)
mRNA, complete cds

CAATGACAGTTAAGGAGAACTTAGTCGTGGCTGGTGGTTTTCAAGGAGAACTAATTTGCAAGTACTTGGATCA
TCCTGGAGTTGCGTTTTGCACCACAATGACAACGGAAGAAAATGCAATCACAAACGCTGTCGATATATTTTCAT
AATCAAGATGGTGCATTGAGGGTCGTTGCAGCAGATAATGATGCATAAGTTAGGATTTACGATGCCGAGACT
TTCACCTGCCTCAATGGCTTCACCTTCGGCTGGTCTGTGAATAACACCGCTGTGAGTCCAGATGGAAAGATGCT
TGCAGTGCTTGGAGACAGCACAGATTGTCTGCTTGCAGATGCCAACTCCGGCAAAGTGATAGAGAGCTTGAA
AGGGCACTTGGATTACTCATTTGCTTCCGCTTGGCACCTGATGGACGCATTTTGTCAACTGGGAACCAAGAC
ACGACTTGCACGCTGTGGGACATATGGAATACGTCCAAGTCCTTAGCATTACTC

>trans_s_5154 XM_002331844|Populus trichocarpa actin 9 (ACT9), mRNA

TTGCACCACCTGAAAGGAAATACAGTGTTGGATTGGAGGGTCTATTCTTGCATCTCTAAGTACCTTCCAGCAG
ATGTGGATCTCAAAGGGTGAGTACGACGAATCTGGCCCATCCATCGTCCACAGGAAGTGCTTCTAAGTTCAAT
ATGTGCTTTGAATGGTGAGTTATTTCTTTAGTTGGCTTTTTTGTGTCATGTGTAATGTGAACTCTTTCGGTTG
AGCTCAGATACGGGTCATGGAAGGAGGGTATATTTCTGAGGTCATTCATTCATATGCCATTGCTTTTCCCCC
CCTAAACCCCTATGAGTTTGAGATTCGTAATACTACTGTGTATTTACGGGTTAAGAAGTAATTGACCCTCTGGA
TGTTTATGTTGTTGTTGGTGGGCAAAAACAACCTTCCCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5155 NM_115838|Arabidopsis thaliana OASC (O-ACETYLSELINE (THIOL) LYASE ISOFORM
C); ATP binding / cysteine synthase (OASC) mRNA, complete cds

GTTAATTTTGTGTGAGGTAACACGGTGGACAAGGTTATCCTGCAACTAAAATATCCAACCTGCCTTTAGTATCT
TCCCATATCTCTGGACCGTTGTCTCATAGTGACCTTAGGGTTAGCAGGATTGTCAAATTGATGAAGCATATA
AGCATTAGGTGTGTTTTTATGAGATCTCTTCAGCTTTCTCAACTGCTCCCTTCATGCCTTTTGCTGGATTGTAAAT
ACAACCTTGGCTCCAAATGCTTTTAAAGAACTCTCCTCTCCAAACTCATCGAAGCTGGCATTGCCAATATTAAT
TTGTATCCCTTTGAAGCAGCAATAAATGCAAGACCAATTCCTGTGTTTCCACTGGTAGGTTCAACCAAAACACT

CTTTCCTGGTGAAATAAGCCCTTTCTGCTCAGCATCAGTAATCATACTATATCCAATCCTGTCCTTGACACTACA
ACATGGTTCATCATTTCAAGTTTAGCAGCAACATTTGCAACA

>trans_s_5156 NM_117537|Arabidopsis thaliana acylaminoacyl-peptidase-related (AT4G14570)
mRNA, complete cds

AATGTTATGGAAAAGAGGGCAAGAATCACTACACCGAAGCACCATCTGCTGAGCACCTAACCCACTTATACAA
CAAATCTCCATTCTACATGTCTCAAAAGTTAAACACCTACCATTTTTCTTTAGGTGCTAAAGATCTTCGTGTT
CCATTTTCAAATGGGTTGCAATATGCGCGAGCGTTGAGGGAGAAAGGAGTTGAGGTCAAAGTCATCATGTTT
CCGGACGATGTTCCAAATTGACAGGCCACAATCGGATTTGAAAGCTTCCTCAACATTGGTGTGTGGTTCA
GAAAGTACTGCAAGTGAGTGACATTCTCTTCTCACCCATTTAGCATCATTGATATCATGCTTTGTAATTATATT
GCCACTTTGATCTTGGTACAAGTGATTCTATATACTCTTGTCCATGGTATTAAGCCACTCATTCTCAATAAAATG
ATGCTTATTATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5157 Z21493|Solanum tuberosum mRNA for formate dehydrogenase

TGATGTACTTGTCACTCAACACTCCTCTAACTGACAAGACAAGGGGACTATTTAACAAAGAGAGAATTGCCAAG
TGCAAGAAAGGAGTACTGATTGTTAACAATGCTCGAGGAGCAATTATGGATACTCAAGCAGTTGTTGACGCTT
GTAACAGTGGACACATTGGAGGTTACAGTGGTGATGTGTGGAACCCACAACCAGCTCCCAAGGACCATCCAT
GGCGTTACATGCCTAACCAAGCTATGACACCTCATATTCGGGCACTACCATCGATGCACAGTTGCGATATGCT
GCCGGAATTAAGGACATGCTTGAAAGGTAAGTCTCAAAGGAGAGGAATCCCTGCTCAAACTACATCGTCAAG
GAAGGACAAGTGCACCTCAATACCGGGAAGTCTTTAGGTTTTGTTTTATCTCCCATGGTGTCTCTCACTCTC
TCCCACTTAGTCAACAGCCGACCTTTGGGGTAAATTCCGAAGACACCTC

>trans_s_5158 D21054|Nicotiana sylvestris psaH gene for PSI-H precursor, complete cds

GAGGACTTGGGCAACACTACTGGACAGTGGGATTTGTATGGATCTGATGCTCCTTCACCATACAATTCTCTTCA
GAGCAAATCTTTGAGACCTTTGCTGCTCCATTCACCAAGAGAGGATTGTTGCTCAAGTTCTTGCTACTAGGTG
GTGGTGCTACTTTAGCTTATTACAGTGCTACTGCCCCAGATGATGTTCTTCCCATTAAGAAAGGACCTCAACTT
CCACCGAAAAGGGGGCCACGTGGCAAGATCTAATCCGCTTTTGAATCTTCTCGTTTTCTGGGGTTTTTGTGTA
TGTAATCTTCTCTCTTAACTCTCCTTCCCAGTATGTTTCAAATATACCGTATAGGAGTGTTATTTGAGCAATTG
TTATTATGTGATGAATGTACTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5159 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

ATGTGTTGTCCGAAAGAGGAGGACTCAATGATTATTCGTTCCGCGGAACCAGAAGTCTTTCTTTGGTAGAT
AGGGATCCATAAAAACTTCTTCGAGGACTGGGCCAGACCGGGTCATTTCTCGAGAACAATAGCTAAGGGTC
CTGATACTACCACTTGGATCTGGAACCTTCATGCTGATGCTCACGATTTGATAGCCATACTAGTGATTTGGAG
GAGATCTCTCGAAAAGTATTTAGTGCCCATTTGCGCCAATCTCCATCATCTTTCTTTGGCTGAGTGGGATGTA
TTTCACGGTGCTCGTTTTTCAATTATGAAGCATGGCTAGGTGATCCTACTCACATTAGCCCTAGTGCCGAGG
TGTGGGTGCCAATAGTGGGCCAAGAAATATTGAATGGTGATGTAGGCGGGGGGTTTCGAGGAATACAAATA
ACCTCTGGGTTTTTTCAGCGACCCGCTCGTAGACCTAACAAACATGCA

>trans_s_5160 Z00044|Nicotiana tabacum chloroplast genome DNA

GTTTATCTACCTTATTGACGTCGATATACTATCAAGAACTAAAAAGTGTCATCAGATATGAAATTCGAATGC
CGACTAAATCATCAACAGTACTGTAAGTAGAATTGTAAGTATCACTATGACTAGGAATGTTTTTATTCATATTAT

TTATAATTGATCCTTCACTTTCAATAGGACCAAGACTATTGATTGATTTATTTAGCCTACACCTGTATTCTAACTT
CCCTTTAGACAACATCGAATTTAACCATCTTTTTTCCATAGAGCTTTCTTGCCCCTATTTACATGAAAATACAATA
GCTGAATAGTCATTGATAAAAAAGAAATCATTTAAATATCTCATTTCCCTATCAGAATAGGATCTAAATCCAAT
CACTAGGATTATTAAGTATTAACGAGTCGGTCTTAAAAAAAAGGTTCCGTTATATATAGTGAAGTGATACTTA
GCGTTCTCTCAAAAGAGAATTATTTTTTTTTCTTAATTT

>trans_s_5161 FJ238512|Populus tremula x Populus alba temperature-induced lipocalin (TIL)
mRNA, complete cds

ACAAACCCAAAATTTGTGTTTTGTATTTCTTTCACAATTGAAACAACAATAATGGCTAAGAAAGAGATGGAA
GTGGTAAAAGGGTTGGATCTTGAGAAATACATGGGAAGATGGTATGAAATAGCTTCAATTCCTTCAAGAAAT
CAACCCAAAAATGGGGTGAACACAAGGGCTAATTATCTCAATGAAATGGAAGTGTGAAAATGGTGAAT
GAAACTTGGAGCGATGGAAACACAAGTTCATTGAAGGTGTGGCTTATAAAGCTGATCCTTCAACCCAAGAA
ACTAAATTTAAAGTCAAAATTTTATTTGCCTCCTTTCTTCCAATAATTCCAGTGGTTGGGAATTATTGGGTTTTGT
ATATTGATGGTGATTATCAGTATGTTCTTGTTGGGGAACCTTCAAGGAAGAATCTTGGATATTGTGCAGAAA
CACTCAACTAAACGAGGAGATGTACAATGAGCTGCTTCAAAAAGGCCAGG

>trans_s_5162 AB063191|Cucumis melo CmEIL1 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

AGGTGAAGGCAGTAGCTGATTAGGATTTGTTTTGGTGTAATCTGGTTGTTGCATCTCACACGAGTTTCGTCA
TCTTAGTTTGGAAAATATTTGCTGATTCATTTTTGGGGGAAATGATGATGATGTTCAACGAGATGGGATTTTGT
GATGATATGGATTTTCTTCTGCTTCAATTGTGGAAGGAGATGCTGTAGCTCCACCAACGGATCCTGAAGTCGT
GGTGGAAGACGATTATTCTGATGAAGAGATCGACATGGATGAGCTTGAGAGGAGGATGTGGAGGGACAAGA
TGCGTCTCAAACGTCTTAAAGAGCAAAGCAAGGTTAAGGAAGGGATCGATATTGTGAAGCAACGACAGTCTC
AAGACCAGGCTAGGAGGAAGAAGATGTGAGGGGCACATGATGGGATCTTGAAATATATGTTGAAGATTATG
GAAGTCTGTAATGCTCAAGGTTTTGTATACGGAATAATTCTGAGAAGGGA

>trans_s_5163 GU457407|Cucumis melo lycopene beta cyclase mRNA, complete cds

GTTTCCAACAGAAGAACTCCCTCTGTCTCCTCTTCAATGGGCCATAGATCTTTCCAAACTTCAGAGGATATCG
CATCACCCCTGAAACGTCCATCTGAACCAAGGCATCGAACTATTGCACTAGCAACAATAGGTGCCGCGGCTAG
AGTTCTTGCTACCATATATCCAGTTGAAGGGTGCACCATCCCTGCTGTTCCACCAATTCACAACACTCTTTGAG
GAAGAACTGGCAGCGGTCCACCCATTGGGATGACACAATGCTCATCCTCTTCAATGCTTTTCACTTTTATTCCC
AAGTGCTTCAATCTTGCTCCATTCTTCCCTGGATATCGCTCATTTGTAATCCCGGTGCGAGCTACCAGAGAAGTT
TCTTCTAGAAATATCCGATTTGATGAAAAGGGCATTGCATAAAGAAATGTAGGAATTTTGCTATTTGCGTCCTT
CAAAATCATATTATTGTTGAGATGTGAATCCCTCCAATCCA

>trans_s_5164 FJ362595|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L39 (RPL39C) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGCCCCAAAACCAATATTAACCTAAGAATGCAAAATTACTCCAGAT
ATAAATTGAACAGAAGTAGATCTAAAAATCCCCTAAGTTTCTCTTCAATAAGTTCTTAACTAAGAGCAAAAA
ATTCAAATATCTAGCTCGCTATCCTTTGTCTTCTCCACAACCAACATATAACTTAAATAGGTTCAAAACAGGACG
AAGAGCGAACCACACGATAAACACCTTAAATCCAAGCTTGGTGCGGCGCCAGTGCCTTCTCTTAGCATTATA
CCTGATGGTGTTGTGAGTCTCAACCGAATCCAGTGAGGAATAGGCCTGTTTTGTCTCATCTTCTTGCCAACT
TCTTCTGATTCTGAAAGTCTTGTGAGACGGCATCTTCAAAATTCAGGAATTGGCCAACGACAGCAAGTCAGC
AACAAATTACCTGAGAGAGCAAAGTGAAGAAGTGCCGTT

>trans_s_5165 XM_002335306|Populus trichocarpa multidrug resistance protein ABC transporter family, mRNA

TTGGTCCTTGACGAAGCCACTGCATCGGTTGATACAGCTACAGATAATTTGATTCAACAGACTCTACGGCAAC
ACTTTTCCGACTGTACAGTCATAACGATTGCACATCGGATAACTTCAGTGCTTAGCAGTGATATGGTTTTGCTT
TTAAGTCATGGACTCATTGAGGAGTATGACATTCCAACAAGATTGCTCGAAGACAAGACGTCCTCATTCTCTCA
GCTAGTTGCAGAGTACACACAGAGATCGGGTTCTCGATAAATCGTTGCAACAATAACTAGTCGTTGATGATGG
CGAAAATTGAAGCTCTCTCTGGAAGAGATGTTGGATTGGAGGAGTTTTTGAAATTTGAATACATATAGGAAT
AACTTGTAGAGCAAGCATCTTGCCTTTTACTAATTTGCCTCTTGCAAATTTGCGAACTTGAAGTTGCTATAAGTT
TTAACCTTAAACAAAATTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5166 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GGGAGAAAATGGATATTACTTCATTTGCAAGGGCAAGAATGTCTGTGGATCCGAGTCGATGGTCTCCTCCGTG
GCTGCGGCTGCCACCCCAAATTGAGCCATCGCCTAGTGCCGTTCTATTAAGGTAACCTTTGTAATTATATGTTTA
TATCTTATATGGGGAATGGTTTATTATTACACCAATTGCTATATATGGAATTGTTCAATTCTCTAATTGGCTGATA
GTTATTGTTGTATAATTTGTATGTTGAAATAATATTATATAGGACCTTTGGGTACTAGAAATGCATGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAGCTCCCATAAAAAACCTAAAT
GGCCCCCGATCCACAAGGGCGGGCCTGGAAAAACCTTGCCTATACC

>trans_s_5167 AY105186|Zea mays PCO137477 mRNA sequence

AAAGCTATCAGGAGACTAAGGGAGCTTCTCACAACCAAAGTGCCTCATGGCACATTTCCAGTGAAGGTTGCTA
TTCCTATTGTCCCAACTATTCGAGTACTTGTTACTTTACAAAATTTGAGGAGCTTCATCCGGTTGAAGAATTTG
CAACCCCACTGTCAAGTCCAGCTCATTTCAGGATGCCAAGTCCAAGGAATCAGAGGGATCCTCATCATGGAT
TTCATGGATGAGAGGAAGTCGAGGTGGGCAATCCAGTGACAGTGACAGCAATCGGTATAAAGATGAAGTTG
ACCCATTTTATATACCGTCCGATTACACATGGGTTGATGCGAATGAGAAGAAACGCCGCATCAAAGCAAAGAA
AGCAAAGAACAAAAAGCATAAGAAACAAGCTGCTAAAGGCGGAAATGGAGGACTTCAAATGAATGAGGAAG
TGGAAGAGTAAATTTTTTATAAGTGATTTTCTGTAGCCATGCCACTTTG

>trans_s_5168 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CCCCCTCGTTTCACCTCAGCGAGTCGGGTTAACCGAGAAGGAACCGAGAAGAAAGTATCAGCAACAACAGGT
TTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTTCATATCGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCA
TACAATAACTGTCCTAGCTCTACCGTATCTTTTGTGTTTATTCTTCTGGAACAATCACAAACACTTTTTTGAATTAT
GGATCTACTACCAGAACTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATGTGTATTCTGAATCATCTCATTTTTCAATTA
TTCAACCATTTTCAATTTACCAAGTTCAATGTTAGTCAGATTAGTCAACATTTCTATGTTTCGATGCAACAACAAG
ATGTTATTTGTAACAAGTAGTTTTGTTGGTTGGTTAATTGGTCACATTTTATTTCATGAAATGGGTTGGATTGAT
ATTAGTCTGGGTACAGCAAAATAATTCTATTAGATCTAA

>trans_s_5169 AM156923|Plantago major partial mRNA for vascular protein 8 (vp8 gene)

GAGATACAAAGGGTAGGGTGGTGGCCATTTTTAGCGATTTTGTGGAGATCACAAACATCAAACCACGATTTG
GCGGAGAAAGATCAGAAGGAGCAAAGTAAAGATGATCCACCGAAAATGGAGTCTTCTACCGTCCCTCCGGC
TATACTGGGCGGTATTGTTGTCTCTAGCCGTCGCTAACTTCATCTTCGTTAAAGAAGATCCATTTCTGAAACC
AAAGGAAAGGAATGTGGAAGCATCTCAAAAATGAAAGGATATATTTCAATGAAGGTTCTATTTTAAGTCTAG
AAGCGTCCCTTTGGATTGGTGTCTTCATTATGTTATTTTGCTTCTCATGTGAATTTGTTATTAGCTCCATGG

TTCTGTCACGTTTTAGTTCTGACTAGTGATTCGTCTTGAATAACCAAATGAGAAATGTTTCGGGGACAATCCA
AGGGTTTTTCTTGACCATATAATAAGATATTTTACAAGTAACG

>trans_s_5170 X82938|*L.esculentum* mRNA for ubiquitin conjugating enzyme

CTGGCACAGCTCGATATTGGACAGAACTTTTGCCAAGACGTCATCTCTTGGGGTGGAAGAAAAGGTTTCAGA
AACTCATGGAGATGGGATTCCCCGAGGCTCAAGTAAGGAGCAGTTTGGAAGCTGTGGGTTGGGATGAAAATT
TGGCTTTGGAAAACTCTGCTCCGGTTAGAGTCTCACTCCTCTGCCACCCGCCAAACATAGGAGTATATATTTG
ATCCAAAGGGTCGTATCTATACTATAGCCCCTTTTAAATTTTTTTAAAAAATTTTAATTTATGTTTCTAGGAGCT
ATGTTCCATTTTTAATGCCCCCATCAATCCCCCTACCATTTCTCTTCACTGATATGGCTTCAAATCTGGTCTTCT
GTTGAGTTTTGGTTACATCACTTATTTAATTCATAACTCTTTCTTAATTTGAAGAAGTACATGGATGATAGT
TGCACCCTAAGCTTCAAGACAGAAGATATTATCATTGA

>trans_s_5171 NM_102139|*Arabidopsis thaliana* CSN5A (COP9 SIGNALOSOME 5A) (CSN5A) mRNA,
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGAGGCAATATCTTGGAAGTATGATTAAATTTCAATAAGAGAGGG
ACCAGAGGCAGAGAAGTGAATTGCCTGCCCGGTCTATGGTGTTATCAAATGAACAAAAAGAAGTGCCTAAA
AAGTATTCCCTTAAATTTAAAAGCTCTTAAAAGCTAAAGCCAAACCCAAAGAAGGAGATTCCCAGTAGTACTCT
TAAATTGCTGCTGCACAAAGGGCGCAACTTCAGTAAAGAACACAACCATCTGCACCTTTCTTTACCGAATTCC
CTGCCGTAGGAAGGGAACACATCAAGCCCTAGGGTTTATGATTTTCATCATCAGCTCCTGGATTTCGCAATATCG
TGCTAACATCAGCTTTCCACCATTTGGTTCTGGACTCGATGACTCAGGTCGAGATTTGTTGGACTGTCGCACTGA
GTTGAACAGGATGTCCTTGATAACCTGTGACATCAAACCA

>trans_s_5172 AY018941|*Oryza sativa* microsatellite MRG1266 containing (AT)X24, genomic
sequence

ACCATTTTCAAAAAAAGAAAAGAAAAGAAAAACAAAGAGAAACCCATTTGAAAAAAGAAAAAAGTCCT
CAACTTTCAAGGATTTTTTTCATCAAATGGAAGCAGCAAACAAGTTTCTAATGATAACAATGATGGTGGTTGTT
GTAATGGTCATTTTCATCATCATCCGCCATTGTTGCAGCTCAAGAAGCTCCAGCTCCAAGCCCAGCTTCTGATGC
CTCTCTTTCTATTCCAACGTTAATGGCTTCTTTGTTCTCTTCTTTTGGATTGTTTTTCATCTAATAATTTTCTTC
CCCTTTCTCTTTTTCTTTTCTTTCAATTTACCTATGAATATATATATATAGATAAATGTGTGTGTGTGTTTTT
CTTTATTTAGGGGATGATGATTGAATTTGTTGGGTGTGAGATTTGGGATTATTATTGATTTTATGTATATCTTT
CCATATTAATTTAATGTTATGTTGTTATTCTAAT

>trans_s_5173 HM122511|*Malus x domestica* C3HL domain class transcription factor (C3HL10)
mRNA, complete cds

ATCGCTGCGGTAGGGGGTGCTTCTCGAGCAGCGGCTCTTCCTATCATTGTGAAGCAGAATTCACCAAGTGTTG
GATTGTTACCCACCAATAGGGAACACAGATCAAACCCGACCGTCGTGAGACAGGTTAGTTTTACCCTACTGA
TGACAGTGTGCAATAGTAATTCAACCTAGTACGAGAGGAACCGTTGATTCGCTCTTCCCATCTCTCAGATTGG
AACTCCCCTGATGGAAACTAGACTGGGGAATGAATGGCAACGATCTCAACAACTCAAGAAATCTGCTTCCT
TCGGTATCCGAAACAACGGCATAGGAACTCCCACGTTCTGCTCCTCCGGTAGAGGAACCTGATGTCTCTTGGGT
TAACTCTTTGGTCAAAGATGTTCCCTCCGAAAGCTTTGGACTGTTTGGTGCCGAGAAGCGTCCATACAACCTCA
AAAGGGAAATCAATGAGATGCTCCCATCCCAAGCAAGATGTCT

>trans_s_5174 U79733|*Beta procumbens* nematode resistance (Hs1pro-1) mRNA, complete cds

TAGGATCCTTTAGTGAATTCGAACTTAGAGAGCAGGAGCTCCTGAGAGAGGGTAGAAGCTTCCAGATCCGTT
CCATCATATAACAATCACTCGCAGCTCCCGCGAAACCTCCTCTCTCGATTCTCTCTTCAATTCGTTTCAGAAGTT
CATGCGCGGAGTAAATCCACGACTCCAGGATCTGGTGCGTTGTGTAAACCGTTTGATTCTCGTAATTTTCGATT
TGTTCTGACGGACTCTTCTCAGAGAATGAAGCTCGTTTGGCTTACAAATTAGGTCGTAATCAAGATTCGGTTT
CCCAGCCAAATTCGGTTCCCTAACCTAACGTGTACGGACATCTCCTCATCTCACATTCAACGGAGTATTGAA
TCAACTGCGCAATGTCTTCAGAGCTCTGCCATGACGCAAGTCGAGGAAGAAGACTCGATTCACTCGTTCTGTT
CACAAAGTGGCTTCTCCATGAACCTTCCAAACCTCCGCGG

>trans_s_5175 AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

TTAATCATGGAAGTCGAACCTCAGAATTCGGAAGTCCCTGTTACAAAGGTAGTTGAGGATACTGGAAATGATG
CCAATGGCGATAAGATAACGAATGGGGTACTCAAGTAGGAAAAGAAATTAAGAACGATGAGGAGGACAAT
GCTCTGGACGGGGAGTTTATAAAAGTAGAAAAGGAGCCTCTGGACGCGAAGGATACTCATCCAGCCAAAACA
TCATCCTCAGAGGAAGATAAACCAACTATTGTTGAAAGAACTTCAAGCAATTCAGCAGAGAATTATTGGAGG
CCCAAGAGAAGTCAAGAGATCTTGAGCTTGAAATTGAGAGATTAGCTGGAAGTTTGAAAGATTTAGAGTCAG
ATAATTCAAGGCTGCAGAATGAGGTATCACTCACAAAGCAGAAGCTTGAGGAAAGTGAAAAGAAGTTTGAAG
TTCTGAACTCGATCACAAGAAATCAAAGAGCAAATTGTTGAATCTGAA

>trans_s_5176 Z34269|H.vulgare (pMaW25) mRNA for beta-ketoacyl-ACP synthase

GAATCAGGAAGGTTTGAGTTATCGACAAGAAATTCAAAAGAAAACCTTAAAGTTTCTAAGTTTAATTTACTTCAA
AAGAAAAATGGCAAACGTCCCTGTGGCTCAGCCTGCAACTGCACTCCCAACAACGTCTCATGCAACCATAAT
GTTGCTTCCATGAAAGAGAACTTCGAAGGTGATTGTGGCTGCAACAAATGCTCATGCGGAGACAATTGCAAG
TGCAATCCATGCAACTGCTAAATTTCAAAGCTTTTCGATATGGAAAGCATACTAATTTACATATTAATGTGCTTCT
AATGATTTGAATTATGTATCAAATGGTTGTGTGTGTATGTTGTTTGTCTGTATGGTGTGTTGACAAAATGCCG
CTTACAAATACTTGAGAAATAAAATACCACACAACAACCTATTATTATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5177 NM_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)
mRNA, complete cds

ACTCACAACCCCAAACGCAATAAGCAAACACGAAGCTATCCTTTTTCCACAAAAGAAATGGCCCATCATGGT
GTAAGCAAGTTCAATTTCTCAAGGGAAGAGATGAAGGAAATCTTCCGTGAGCACGACATCGACGGAGACGGT
TACCTCAGCATCGGTGAGCTCATCAAGCCATGGGGTCTTGGGTCACTCTATACCATCTACAAAGCTCACTA
CGGTATGGCTTATTCTGATGAGAATGGCGACGGCCTTATCTCAGAAGACGAGCTTGACAACTCATCGATTAT
GCCGAAAGGTTTCAGAACAAAAAGCGTTGATAAAAAATTGGCAACACCCTATGCTTTTATGTTTTTGTTCCTAA
GCTTTTGACTTTCACTAATAAAGGAAGGAAGGGCTGGCTTGAGCAAGTTTGGTCCTCCTTCTGTGTTTATGTA
ATCTTGTTGCGAAATGGAAGGCTTCTAATATCTATTAGT

>trans_s_5178 AL161495|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 7

ACTCTCAGGCGAGGATAGTTTTCCCACTTTGGAAGATGGCCGAACTCTTGCAAGATTACAACATCCAGAAGGAG
TCGACCCTCCACCTTGTGTTGCGTCTCCGTGGTGGTATGCAGATTTTCGTCAAGACGTTGACCGGAAAGACCAT
CACCTAGAGGTTGAGAGCTCTGACACCATCGACAACGTCAAGGCTAAGATCCAAGACAAGGAGGGAATCCC
ACCAGACCAGCAGAGGTTGATCTTCGCTGGAAAGCAGCTTGAAGATGGAAGGACTCTGGCTGACTACAACAT
CCAGAAGGAGTCAACCTTGCAATTTGGTGCTTCGTCTCCGGGGTGAATGCAGATTTTGTTAAGTGGAAGTGG
CCTTTCTGGTAGTGGAACCTCCACCTCAGCTCCGACACGATCGATAATGTGAAAGCTAAAATTCAGGACAAGG
AAGGCATTCCTCCGGATCAGCAGAGGTTGATCTTTGCTGGGAAG

>trans_s_5179 AB244303|Cucumis sativus CsGRP1 mRNA for cell wall glycine-rich protein, complete cds

ATACAAAGAGAATGAGTTCCAAGGCTTTCATCTTGCTCGGTCTACTTTTTGCCGCTGTCCTCTTTCTCGGAGA
CGATAACGGTTACAGCAAGGGATGCGAAATCAAAGAAGCTACGACGGAAAGTACCGGTGAAGTTGACAAT
GTTGAGAGCCACAATTATGGAGGAGCCCATTCTCGAAACCTTGCCGAATGCATCCACGGTTGCGACCGAGGTT
GTTGCGAATGCTTTCGCGACCGTTGCATCAGGTGCTGCTAGTTTTGCCTGTGGGGCTGCTATTGTTGATGGAA
AGCCTCAAGCTAAGCCTAAGAATAATGCACATGTTATTGTGTTAACTTTAAATAAAATGGGCTTTATTTCTGA
AGTTGGTGTTGACGTTTGAGTGTTGTAAGTTATGATGAATAAATGCATATGCTTGTGAGATTAATCATAAGT
TAATCATATTACAATTATAATATGGTTCTCATCAAAGAAAA

>trans_s_5180 AM489938|Myrcia pubipetala plastid external transcribed spacer, ETS, specimen voucher Lucas 86 (K)

CATGAATGGATTAACGAGATTCCACAGGCTCGTTGCTCGGGCATCGAACTGTCAACGTCGGCTCCACCTCAT
TGACGTGCCCCGAACAAAGCTTGAGTTGAGCGGTACAATCGATCGGTTCTTGCATCGGTACCTCACTCGAT
GGAAGCGTCGCGTCCCGTTGGCCCTTTCTGTGACACCCATCTTTGGGTGGACAACGAACCCGATAGCCCCG
ATCGCGTTCCGCCTTGACATCTTCGGTTGTCATTGCGGGCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCACTG
CATTCGGTGGCATGATAAGTCCCTCGAAACGTGTTGCCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCC
GTATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGCATGCATGCGGGCTGTGACGTCGTGTAGGAATGCTACCTGGTTGA
TCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCA

>trans_s_5181 AF229811|Cucumis sativus fatty acid hydroperoxide lyase mRNA, complete cds

GGAGAAGTTCGTGGGCGATAGGTTCTGTTGGGAGAGGAAGGGGAGAAGCTTTGAAGTATGTTTACTGGTCAA
ATGAGCGGGAGACAGTGGAGCCGACGGCGGAGAACAAGCAGTGTCCGGGGAAGAATCTGGTGGTGCTGAT
AGGTAGGATTATGGTGGTGGAATTCTTCTCCGTTATGATACGTTACCGTGGAGGTGCGAGATTTGCCGCTG
GGTCCGGCAGTGAAGTTCAAGTCCTTAACCAGAGCAACCGATATGGTTTAAAAGCTAATGACTAAATTAGTTT
TTAATCATTTTACAGGTATTTTATATTATGTTTTTTCATATTTCAAATTTCAAATTGTTTCTTTTAAGGTCATA
CCAATTGGAGCAGCACTTTTATTCATTTCTAAAATTACAACCAAAAAACAAAAAACAACACACAAACAAAA
AAAAAAAAGCCAAAAA

>trans_s_5182 FJ719369|Gossypium hirsutum cultivar CRI12 NADPH:cytochrome P450 reductase (CPR2) mRNA, complete cds

TCCGGCTCCTATTCACATTTTTTACTTCAAACGGTTTCTCCATTCTTAACCGGATTCCGGTGGTCTCTTAATTCC
TTGGCGATATCTCCACCGGATTCCAGTGAGGTCTTTAAGTTTCTTTGGATTCCGACTCCATCATGCAATCGG
AATCCAGTTCTATGAAGGCTTCTCCATTGGAATTCATGTGCGCTATAATTAAGGGCAGGATGGATCCGTCTAAT
TCTTCATTTCAATCGACTGGCGAGGGTGCCTCAGTATTTTCGAGAATCGCGAGCTGGTTGCGATCTTAACCTAC
CTCGATTGCTGTGATGATTGGCTGCTTTGTTGTTCTTGTGTGGCGAAGATCCGGAATCGGAAAGTTAAGACT
ATAGAGCTTCTTAAGCCGTTGCTTGCGAAGGAGCCAGAGCCAGAAGTTGACGACGGGAAGAAGAAGGTTAC
GATATTCTTTGGTACGCACTGGGACTGCCAGGAAC

>trans_s_5183 AY147654|Roystonea princeps photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II CP43 protein (psbC) genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

GTCCTACCCTCTGAGAAATAGCGTGACGCGGAAGATCCTGAATTTGAGACTTTCTATACCAAAAATATCTCTCT
AAACGAAGGTATTCGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTT

CTACCCCGTGGAACGCTCTTTAATGGAACCTTAGCTTTAGCTGGTCGTGACACAGAAACCACCGGTTTCGCTT
GGTGGGCCGGAATGCCCCGACTTATCAATTTATCCGGTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGGATT
AATCGTATTCTGGGCCGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTTCGTACCGGAGAAGCCCATGTATGAA
CAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTTTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTATAGACA
CCTTTCCTTATTTTGTGTCTGGAGTACTTCACTTAATTT

>trans_s_5184 XM_002881301|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PTAC12, mRNA

AGAAGGAAAGTTAACGGAAAGGATTTCTCGTCGTTTGGACCATATACCAACTTTATGTGCCTCATGAGTTAAT
CACCCCGTTGTTTGTCTGAAAATGCAGGGGAAACCCAACAAGAAGGATCCCGCATCACTAGATGGAGCCATT
GATGAGTCTGAGAACTTGACTGATTTTCTCATGGACTTCGAAGAAGATGAGTGATGATTCTTTCCTTCTTTAA
CTTCTAGATATAAAGTGTCTACTTCCTAGCTAGCTAGCTCCTTCGTAATCTGTACTTGAGAAAACCTATTAGACTG
AATTTCTGAAGTGTCTGTTAAAGTTTGGATTTCACTAGAACGTTAGTATTAGTTTATTTATGAAGTCATTAAT
AAGCTTAGATTTTTACCATTTTAAAGCCTCTTCTGTTTCTATTTAGTTAAAACAAATGCAAGTTTCTAAAATT
ATTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5185 U10046|Pisum sativum ribosomal protein L27 homolog (RPL27-5) mRNA, complete
cds

GGTTGTTCAAGTAACCTAATAGGAGAGTAATCCAGAACAAACCCATAACTGAAGGAGCCTCTTAAGAACCTTAG
CTTGGTGAAAAACCACTGTTCTTCCCGGTTTTGAACCTTTCCTCGAATCTCTTCTTAGTTTCCTTGGCGGCGGT
CACCTTCTTGTCTTTGACTGCAATGAATCGATAGTGACAACGTCTTTAAGATCGACATCGAGAGTGACCTTG
TGGGCATCAGGTGCCTGTAGTTGACGAGCTTGACGAAGGCCTTGACTCGAGATTTTTAGCGGTTTTCTTGGC
GGAGTCCTTGCGGATGACCTTGGCCGGGTACTTCTTAATTCCAGCGACTAAGCAGTGGCCATAAGCACGATCC
CGGGTCCGTCATCAAAGGCGCGAACGATGACCGCTTCCGGCCGCGTAACGGCCTTGAGGACGATGACG
GCTTTGTTGGGCTTGAGGAATTTACCATTTTCGGATT

>trans_s_5186 NM_111550|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L29 (RPL29A) (AT3G06700)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTTAGTTCAAGCCACAAACAATGGGATATCAGATAATATATTGATGTAAATCA
GATCTCAGAAGAAACAGTTTCCACATTGAGTCAAAAATAGCAAGGCTACTAAACAAAAACAAGTGCATACCA
AAAGATTCCATACAAGACAATCTCATATCATAAAAACCCTAAACATGTCGGCTACATAGAGTTCTACCTTACTC
TCCCCAGAAGCATTTTCCCCACTCTTGTTATTGTGTTTCTTCGCGTACCTCTGGTTCCTAAGGAATTTCCGATCC
ATCCCTTTGGTGGAAGTGTGGCGGTGCTTCCTTGTTTCTTGATACCGTTCTTATGGGCTTTGTAGGATTGATT
GTGAGCTGTGTGATTCTTCGACTTCGCCATCTCTGAACGGAAAAGCACAGAGGAGAGAGTGAAATCCGATCTC
TGTTGTAATCGATAGGAAGA

>trans_s_5187 GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

GATTTGGTGGGATGAATCACAGTCACGCCACACAGGATTTGTACGAGTCGATTGCGGCAGGGAATTTCCGG
AGTGGAAGCTTTACATACAGACTATTGATTATGAGGATCAGAATAATTATGATTTTGAGCCGTTGGATACGAC
GATACAATGGCCGGAGGATGTGATTCCGTTACAGCCGGTGGGGAGATTGGTGTTGACGCCTGGCGCCAGCG
GCCCTTTTGGGAGAATGAGATGTTGGCTTTCTCATGTGCTTGGTGCCGGGGATACATTATTCGGATGATAA
GATGTTGCAAGCAAGGAGCTTTGCGTATGCGGATACACAGAGGCATAGACTTGTCCTAACTATCTTCAGTTG
CCTGTTAATGCTCCTAAGTGTCTCACCATAATAATCATCATGAGGGGTTTATGAACTTTATGCATAGAGATGA
GGAGGTGAATTACTTTCAGGATCTCGCGT

>trans_s_5188 GQ998800|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ATP synthase CF0 subunit I protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAATCCAAAAAATTTCTTACTTTATACATAACATAGGTCATCG
ATTACAGCATTGGATAAAAAAGAAAAATGAGGGTGAAATCCTCATTTTTTAGTTTTTACAAAAAATTCTAA
TATTCTATTAATAAGAAAATAATAAAAAAGGGGGTTCAAATCATTTTATCGACATGAGTGTCTATATCGAA
AAAAAGCCCAACTATTTGAAACGATTTATGTATTAACATATGTATTAACATAAGAGTAGAAAGAGTACCATGCT
ACGTCTGGACTTCAAACGTTTTAACCATGTTAATAGTCCACATTATTGGTTGATAGAGAATCAAAGTTGATTT
ACCAATGAATCACGAAATGCTATGGTCTTCAATATGATTTCTCATTTTGTGAGAAGTAATTCGCGGGATCAT
GCACCTTTTCGTAGTTA

>trans_s_5189 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

AATGTACTATTCCTCGAAGTGATAAACTCTGAAAGATATGGTTTTATAGAGAGGCCCGAGAAGGTATTCGTGC
TTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCCCGTGGAACGCT
CTTTAATGGAACTTTAGCTTTAGCTGGTCGTGACCACTCCCAACAATTGGGATAGGTTGTTTAATTTCCGTAA
TCAGGCGACCGGGCGCCGGTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGATTAATCGTATTCTGGGCCG
GAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTCTGACCGGAGAAGCCCATGTATGAACAAGGATTAATTTTACT
TCCCCACCTAGCTACTTTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTATAGACACCTTTCCTATTTTGTGT
CTGGAGTACTTCACTTAATTTCTCC

>trans_s_5190 BT028878|Arabidopsis thaliana At1g68585 mRNA, complete cds

GAGCATGGCCGCGGTGGTGGTTGAAATCGGAGTTCGGAAGCAGAGGATTTTCTCATGCGTCTAGTCTTGCT
TCCATTGAGTCCTTATCTCTGCCTCTCGTTCAGGAAATTGTGTTGACAGCCGATATTGGTTGTGCTGAGTGTCA
GAAGAACTGGCCGATATACTCTCCAAATGAATGATACAGAGTCTGTGGTGGTTGATTTGTTGGACAAGAA
AGTGATATTGACTCGAAGATCGCAAATTCATCTAGAGTTTCAACGATCAAGAGATTGTTTGCTTCTCCTTGCA
GATAACTATTAGTATATATGAGTTTTTTTTTACTAAGGTTTGTGATAAATGAATAATCGGATTGGTTGTTGTT
ACTTTGAAATCTTGAAAGTTAATAGATTGCCTTTAATTTCTTGTTGATTACAAGGGAAAATATACTTGGT
TCTGCCATATCAATATTGCTT

>trans_s_5191 CT029363|Poplar cDNA sequences

AGGGCATTATCAGACACTGGAATCTTCAGGGGTCATTGGACGGGAAAACTTGGACAACTTGCGAGTACAT
GAGAACGATCAGACGGTCTGCAAACCTGGTCAGTTTGCATCATGGCCTGTAAGTGGACCAACGCTTTACTTC
CATTTAGATTCTTCCGTGTTCTTCTCACAGCCCCAACAACTGATGCTTCGAATCCGTGGAACCTGTGCATTTGCT
TTCTGGAACCTTATGGCTACTTCTCTAGATTCTGTATTTGTAAATTATCGTGCCACCCCTTTCCTTTGAGCTG
TAAATTATGCGGGCAGATGATGCTTACTGTTTCAAGATAAAAAATGTTTTGAGGTTTTTGTAAAGCATTGTCTAGG
GCAATGCTACTTTAAGATGAAATCTTCAGGAATAAAGGGTTTTTCAGATGTAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5192 NM_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

TGCGCTTGGGGCTGTGGAACAACAACTAATCCAAATGGTACTGGCTTGACAAATGGTGGGGGAACAAAGGGAA
ACAATGGTGCAGCTCCGATGAAATCTTCATATCAAAATTCACATTTGGTTCAAATGCCTATGCAAGGGGTGCT
TTGCCAGGGCATATTCTGCTTCTGGTTATCAAGATCCCAGATATGGCTATGATGGGTTGAGGAATTCTTCCC
ATGGTCAGATGGTCCACTGTACTCAGATGGACAGTCTAGGCTTGTCAGTAGCTCTACTATTACCTCTTCTATCT

CAAATGCAAACAACATACCTTCTTCAAGGAGTCCAAGCTTCCGTCCCGGATCTCACTATGTAGGTTTTCTCATC
CTAGACCCATGTCAGGAATGAATACCACCCAGGGTTATATAAACCGGATGTACCCACGCCTGGTGCACCACT
TAAACCTTTGTGTACAGAGAG

>trans_s_5193 AY042881|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F21O3.2) mRNA, complete cds

TTCGAGCGGCCCCGGCCCCGGGGCAGTCATTCTCTTGAATTTGAATGGACCATTGTCTCTCTCCATAAATCC
TTCCCTCTCATATCCCTTCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCCAAATCCAAGCCCTATTTTTCTTCTTCCGGAACTC
CCGCTTACTTCTAGGTCCGCTTCTTGGTTGTTCTTGCCAGTACTGGAGCCAGTCACTGTGAGTTTGGCAGTTT
GAACACTCCTTTGGATCCCAAGTCTCCGTTGGTAAGCATCTAAGTAGAGTTTTGCAGAATTATAGGCACCTTT
TTCATGTTTCTATTGAGGATGAGTTGAAACGCTTGGCTGACGACCGTCATGCTGCTCTTCATCGTATGCTGCTT
GCCGCTGATTCTGATGAAGCCTTGCTGCATAGGAGGATTGCTCAATTGAAGGAACACGAGTGCCAAATAGCA
GTTCAAGATGTCATGT

>trans_s_5194 XM_002318071|Populus trichocarpa histone acetyltransferase (HAG904), mRNA

AGGGCAAACGTCTATCTGAACGCTCTCAAATCCGCCGCTGCCGGAAGTATGGCCTTGACGGGCACCAAA
GCTCGTTGAAATGATCGCAGCACTTCTGAATCGGACCGCGAGGCCCTACTACCGAAGCTTCGAGCCAAGCCG
GTTTGAACAGCCTCCGGTATCGCAGTCGTGGCCGTGATGTCTAAGCCGCATCGTTGCCCTCATATTGCTACGA
CGGGGAATATTTGTGTGTACTGCCCCGGAGGACCTGATTGAGACTTTGAGTACAGTACCCAATCTTACACTGG
TTATGAGCCTACAAGCATGCGTGCAATTCGTGCAAGATACAACCCATATGTCCAGGCTAGAAGCAGGATAGAT
CAGTTGAAGCGTTTGGGTACAGTGTTGATAAGGTTGAGTTCATCTTAATGGGTGGGACTTTCATGTCGCTTC
CTGCTGATTATCGTGCGGCACCCG

>trans_s_5195 NM_001056897|Oryza sativa Japonica Group Os03g0414400 (Os03g0414400)
mRNA, complete cds

GAGAGCATAACAGGGAGCGAACTTGCCGGTTTTGCGAGTGGGCGCTTTGCTCGTTTGCGCCACTATTTCTGCCC
CAAGAATCGATGCTTTCATCTCTTCTTCTCAGCGCAGATCCTTGGGCATGTGCAAAGATGTGGTGACCTAAG
GATGATAGCATGTTCAAAATGTAAAGGAGTTGGATCAACCAAATCAGGTGGACTGTTTGGCATTAACTTCTT
GCTGACTTTTACGAATCATTGAGCGAATCAAACGTGCCTTCTATCCCGTGCATGAGATGTAATGCCAAGGGTC
GCTTCCAATGTCCGGATTGCAGCTCTCAACTCACACAACTTGATTTTGTTCCTTGATCATTTCTTCTAATACT
CCTCCGACGTAATGAAAATGTACCAATTATTGTTCTTATATTAAGTATTACTCATTAAATCCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5196 AY390353|Actinidia deliciosa cystatin mRNA, complete cds

GGAAAGCAATTAGCATAGTTTCTTACAAAGTGTTATCTATCCAAAGGTATTAACAATGAGTTATGTGAATATTG
CAGAATTTCTCTAGTACCAATTAAGGATATTGATTCTGAAGAAATGCAAGGATATGCAAGGTTTGCAACAGA
AAAGCATAATGAAATTACAGGCGACAACTGCAGTTCAAGAGGGCAATAAATGGGTTGGAACAGGGACGAA
GGTTGGGCCAAATACTTTTCACTTATGTGTTGGAAGCTGTAACTCGGGTGGATATGTTTGGACTTATCGAAT
GTAGTATTTTACAATCAACGAGCAGCCTTACAACCTCATAGAATTTGGACCTGTTCTTCTGAGCATATAAAAAA
CTAAACTACCTTCTACTTAACAATATCCAACATATATATAAATAAAATATAATTATTGTACTTACCTTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5197 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

TAATAGATAATATATAAATAGGATTATAGTGGATGAATCTTCAAACGAGACATGTACCGATCGACTAATCCGG
TATATTTTCCACATTGATAGGAGTACGTTTATGTTTCTGCTTTACGAATATGATATTTTCTGGGTATTTCTAATAA
TATCAAGTCTTATTCCTATTTTGGCATTCTAATTTCTGGAGTTTTAGCCCCCTCTTAGCAAAGAGCCAGAGAAAC
TTTCGAGTTATGAATCGGGAATAGAACCAATGGGCGATGCTTGGGTACAATTTAGAATCCGTTATTATATGTTT
GCTCTAGTTTTTGTGTTTTTGTGTTGAAACAGTTTTTCTTTATCCGTGGGCAATGAGTTTTGATGTATTAGGG
GTATCCGTCTTTATAGAAGCTTTAATTTTCGTGCTTATCCTAATTGTCGGTTTAGTTTATGCATGGCGCCCGAAG
ATGCCAAGCAC

>trans_s_5198 XM_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family
protein, mRNA

CCTTTGATCCCCCTGAACTAGTACAGAGAAAGCCAAGAACAGTAAACATACAATTGATCCTTCATCTCCTGAT
TTTCTGCCACTTCCTTCATTTGAGCAGTGTTTCCCAAAAAGCACAAAAGAACACAAGGAAGTCGTTTCATGAAGA
AACTGGGCATGTGCTCAAAGTACCTTTTCGTGCGGTTTCAATTTATCTGGTGATGAACCAAACCTTTGATAATTATG
ACACCAGTGGTCCTCAAAACATCAACCCCCGATTGGATTGCCAAAACCTTAGGAAGGACTGGGTTGATAGGA
GGGACAAATTAGGTGCTCCAAGATGCACACAGATGTATTATGCCAAGCAAGGAATCATTACTGAGGAAATGT
TGTTTTGTGCCACTCGTGAGAAGCTTGACCCAGAGTTGTGAGTGACTCTTGGTAGATCTTTATTTACCGACGG
GGAAGGTTGTTCTTAGGCC

>trans_s_5199 FJ402908|Glycine tomentella retrotransposon gtd1-83o8-re-1, complete sequence

TTTAGGAGTAACACTGCTGATGATATTTACTGAACTCCAATTTTATGAAGCAACAAAAAGAAGAGCTGTGCTTT
TCACATTCATATACACAAACGAGCAAAATATAGTATGCACAGATTATTTGTCACAATTCTAGATAGATGGTTGG
GATTCAGTTTTTAAGGCAAAATGTAAGAGAAATTACAAACAACAATCTTTCTCTCTCTCTTCTGTCATCTTCA
TCTGTCATCTTCACCCTCAGCCCATGCATAATCCTCACCTGAACTACGTTACCTCGAAGCATATTCACAATCTG
TCGCAATTCAATTACACGCCTCCCCAAATACGTGGGAAGGATTGTGCGTGGCTCATTCTCAAGCATGCTTAATT
GGTTAGAAGTCTTTGCTTGATGGTTACATTTTAATATAAAATCCCATGAGGGTTCAAGGATTTCAACATCAAAAT
GCAGGCGACAAT

>trans_s_5200 AJ400821|Capsella rubella ORF1, ORF2, ORF3, ORF4, ORF5 and ORF6 (partial)

ACACCGTAAGTTTCTTCGACTCTTTCAAGTAGAGAGATCCAGTAATACCGAACTCCTTTGTTTGACGGTCCACA
GCTCGTACTTAACCTTCTGGACCACAAGGATTATGATATGTTTCTCACTTTGAAGAAGATTGTCTGACTTTATCT
TTCAGTCACATTTACTACCAGATCCTTGTGCATATGGTCACATTCTCATAGTTTTTTAGACTTTAGTGATTTATA
AATTATTTGATTAAGCAATGGTTTCATGGACTACATTTTATCTCCATAATATCAATGTACATCGACAGTTACCTG
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAGGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCGCCCCCAAAAACTTATCA
AAACCCCCAACCCAG

>trans_s_5201 EU002490|Coriaria nepalensis RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

TGGGTATTGAAATCGAAATACCGGAAGGGGGTCGTAGTTCTTTTTCTCGTTCTTGAAGTGATTCAAATTGAAT
GATGAATCCATTTCTTCGCTCTTTGCCAATAAATCAGAATTACCGTGAAAATAGCAGGATATGTGAGATTAG
ATTGACCCGTACATAGGATTGGATTAAGTTCTGAATAATCAGGAATTCGCTTTTCGTTTTTACCAGAGAGATCC
GGACCATCAAATTTTTGTCCCACTTTATCATTATTTACTGAAAGGCTAGAAATATATCTTCTTTTCGACACAAAGA
GAATGAACGTTAATTTGATCTTGATCCTTGATAGAGTGAAAAAGGGACTACACTGCATCCGCACGAACCTCTG

>trans_s_5206 GQ998246|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

TCAAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGCATG
ACTTCGAAAGTCATGATGATATACTGAAGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCATTTTCGGGCAATTAG
CAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAG
GACCCTTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCACGGGTGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTT
TACTCGAGGTGGTGTCTTGGCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTATCAGTGGTGGTATACAATCGGTT
TACGCACTAATGGGGATCTTGGTGTGAATTGCAGGATCCCGCGAACCACCGAGTCTTTGAACGCAAGTTGCGC
CCCCTCGGAAG

>trans_s_5207 FJ231526|Melaleuca quinquenervia chlorophyll a apoprotein A1 (psaA) mRNA,
partial cds

AATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAGTGTCTCTCTTTTTCGCCTTTTATACCAT
GACCAATGCCCCAGTTGGTCTATACATGTGACCCGCTATCAGGAAAAGAATTGCAATAGCTAAATGATGGTG
TGCAATATCGGTTAACCATAGACCCCGGTTACTGGATCTAACCTCCGCGAAAAGTAAGAAATTCGCATATT
TTGACCAATTCAAAGTGAAAAATGGGGTGTCTCCCTCAGCAAACTAGGATAAAGTTGCGCCAAAAGCGAAG
GAGGCGAATATGATATGCTTAACTCAGCGGGTAGTCCCGCTGACCTGGGGTCGCGTCGAGAGGGTCCTTC
TTGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGCTCCTTACTTTCAAGAACTCGTATACACTATCTCACTCTGAGGCGA
ACGGTCGCTCGTTCCT

>trans_s_5208 GQ998230|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 2 protein (ndhB) gene, complete cds; chloroplast

CCGGGAGTTGTAGCGGCGCCCTACTTCTGCAGCTATCGGTTTGCATTTTACCCATAAACCCCTTCGACGATCC
GTTGATGAATGGTTATACAACGGTGGTCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCATGTTA
CATGGGTCGAGTCACCAGGTCATCAAGGTGTCAATCGCCATGAATCTAGGAACCTTTGCTTGCATTGTATCAT
TTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACATAAAAGATCCTCTTTTGGCTCTC
TCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCTTAGGAGGTCTTCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACCTTTATTTATTCT
GGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTTGGTTCAATAGGACTACTTACTCTATGGTGGGAGCGAGCAGC
GGCGAGCCG

>trans_s_5209 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CGGAAACACAGAATCCTTAGTTTAGAATGGGATTCCAACCTCAGTACCTTTTGAGATTTTGAGAAGAGTTGCTCT
TTGGAGAGCACAGTACGATGAAAGTTGTAAGCTGTGTTGCGGGGGGAGTTATTGTCTATCGTTGGCCTCTATG
GTAGAATCAGTCGGGGGCCTTCGAGGCGGTGGTTTACCCTGTGGCGGATGTCAGCGGTTTCGAGTCCGCTTAT
CTCCAACCTCGTGAACCTTAGCCGATACAAAGCTATATGATAGCACTCCATTTTCCGATTTCGGCAGTTTCGATCTAT
GATTTCTCATTATGGACGTTGATAAGATCCTTCCATTTAGCAGCACCTTAGGATGGCATAGCCTTAAAGTTAA
GGGCGAGGTTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAGGCACCCAGAGACGAGGAAGGGCGTAACG
GATAGT

>trans_s_5210 U19740|Flaveria linearis carbonic anhydrase 2 mRNA, partial cds

GGTCAACAAGAAAGTGTTTCATAAGGGGTGCACATTACAACCTTTGTGTCTGGAGCTTTTGAGCTTTGGAATCTC
GACTTTAATATTTCTCCTTCTCTAGCTGTTTGAGAGTACACCATAACAATACCTCATCAACGACGACAATAATCAA
ACTCGGCCGTTTGGTTACTTTTGAGTTTCTTACTGTATTCTGCTATTGTAATTTGATCTGAGGCTCCCGTGAAGA
AGCACTTATTTATACTTGCAAGGATGAACTGCTTACTTGATCTTCCCCTCCAATAAGAGTTTTTTTTTTTTTTTTT

TTCTTTTTTCTTCACTTCTCTGTCTTGAAAATGTTTCCTGTAATCCCATCACTTTTGTAAATGTTATAAATAAT
TAAGTATAATGAAATGTCTTGCTTCATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5211 GQ997694|Nerium oleander voucher FLAS:W.S. Judd 8076 ribosomal protein S12
(rps12) gene, complete cds; chloroplast

CCCAAGTCAGACGAACGATTTGCACCGACAGCATCTAGGGTTCCTCGAACAATGTGATATCTCACACCGGGTA
AATCCTTAACCCTTCCCCCTTACTAAGACTACAGAATGTTCTTGTAATTATGGCCAATACCAGGTATATAAG
CAGTGATTTCAAATCCCGAGGTTAAGCGTACTCTGGCAACTTTACGTAAGGCAGAGTTTGGTTTTTGGGGGT
GATAGTATACACCTAGTACATGTTCTCGACGCTGAGGGCATCCCCGAAGGGCGGGCGATTGGTGACATTT
CTGATTGGCTGTCTTGTTTTCTAATAAGTTGTTAATAGTTGGCATGTTGAATTGTATACATAAACTCAACCAA
ATCTAGTTAGGAGTCTAGATCTCTAAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCTGT

>trans_s_5212 X14018|Spinach psaE mRNA for subunit III precursor of photosystem I reaction
centre

AAAGAGGTGCCAAGGTGAAGATTTTAAGGAAAGAATCTTACTGGTACAAGGATGTTGGATCTGTTGTAACAG
TTGACCAGGATCCCAACACTCGATATCCAGTTGTGGTTAGATTTAACAAAGTAAATTATGCAAGTGTATCAACA
AACAACTATGCACTTGATGAGATTGAAGAAGTTGCTTAAGCTTTTTTAGTTTGCTTGTTATTTTTGAGTTAAA
AATGTTTGATAATACTCCAATTTCAATCTATTTCTCCCTCTCTCCATGACTGTGTGTTTACTGATTCTAAACAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAACAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_5213 AB331351|Zygogynum pauciflorum chloroplast rpl2, trnH, rpl22, rps3 genes, partial
and complete cds and complete sequence

ATCGGTCCATGCCCCAAGTTCTATACAGTAGGGTAGACTGAAAAAAAAACACCAAGAAAATCTCGAAAGACTTT
GATCAAATGAACTTGATGAGAAAAGAAAGCACGTAGCCTCCGAAGGCGCGAAGCGGAGCGACTCAAATCAA
AGACGTGGGGACTTGTCTTCTTATATTATAGGCTTTCCCGAGTCCGACTATCCACTGAAAGTAGGCTTGAT
GATAATAGTAGAATAATCGGATATTTGAGTAGATAATCAAGAAAATATGGAAGAAGACGGAGCGGGAAGAA
GAAGATCAGACTGCTCTACTCAGCCTCCGTAGTTTCATCTAAGAGTTGCGAAAGTCTTTGACTTGATTCTCAAT
GAGACCACTAAGGATTCCTCGTATTGCATAAATCAGTCATACTCCCTTAGGGACCTTCCGGAGATGGGAACCG
AGCCA

>trans_s_5214 GQ997886|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 photosystem II protein
D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

CGTCTTTCATAAATCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCGGCTGAATCCCTACAATGTTTC
TCTACCACCCCTGAACACTCAACAAGCCGTGACACCAACGAGTAAAATCTCCTTGCTTCAGGGCCCCATAGT
AACAAACAAAGAGTGGGCTAACTATTAGCAGGAGTCGAAACTGCGGCGGTTAAGAAGTTGCATCCTTCCAAA
TAGGAACTTGCCAATCCATGGGTATACCATGAAGTTACAAAGGTTGTACCTGTAAACCAACCTCCGACGGCAA
AATAGGCACAAGGAAAGAGCAATAGACCGGACCAACCTACAAAAAGCTTTGCCAGGGAGGCATTGGTCAGT
AGGTGCCGTTTCATGGAACCTTTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGCTACTACCACCAA
G

>trans_s_5215 NM_001055359|Oryza sativa Japonica Group Os03g0126300 (Os03g0126300)
mRNA, complete cds

ACCTATCCGGATCACTAAACTTGACCACATTTCTGGAGAGATGTATCATATTCCTCCGTTGGAAAATTGACGAGG
GCCACTGGTGAGGTCAGCTTCCGGAGGGTTGAGAACGAAGATAAAGAGGAAGAGGAGGGAGACGTATTTCA
AGTCTTGACCGCAGTAACAAGCGACTACAATGACATTATAATTGTAGACACTCCCAAATCCAGAATGTTGCTTC
TCGATTCTTCTCGTACCTCTGCTCCTGCTCTTCTTATCCTCAATTTTTTTCTTCTTCAAAAGGGGAATTCAGAC
CTTCTAAACTATGCCCCACATTGTTGACGCAGATAATGTCCACAGCATTCTTTATAAGGAGCAGATGTGGACA
GGTTCTTATTGGGTCACTAACTCGGTCTCTTCGCCGAACCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5216 XM_002881770|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata amino acid transporter family
protein, mRNA

AACTAATATCTTACCAAATTGATCTCTGTCTTTCATCTCTGATTCTAGAGGGAGAATCATGGCGATTCTTCAAA
GGCGTAAGCAGCTACTCCCATGCCGTAGAAGAAAACCTGATAATCCTCCAAACCTTCCACTGGAGGCCGATT
TTAAGAAAACAGAAACATCTTCAACAATCACCCTCCATAGCTCCTAGATCAACTACATCTGCAAAAATACT
CAATGGAGCCAAATGAGTAAGGGATTTGATCGAATTCAGACCCAATTGGAAGGGTAACAACCAATTATGTA
TAAGATTTTAGGGGAAGCTCCAGAAAATCGGAGCCTAAAGCCATGGAAGATGAGTTGAACAAAGTGCTCAA
CGTATTGCCGATGAAGACTAAATACCCAACGCAGAAGCCGGTTTGAGCTAAAATAATTAGAATATCAACGATC
G

>trans_s_5217 FJ534376|Miltoniopsis roezlii voucher FLAS:Whitten 99252 photosystem I subunit B
(psaB) gene, partial cds; chloroplast

CTTGTGACTCCCCTGGGCAAAAAGATCTTTTAGAAGCACATATTCCGCCGGGGGGACGATTGGGGCGTGGAC
ATAAAGGTCTTTATGACACAATCAATAATTCGCTTCATTTCAATTAGGTCTTGCTTTAGCCTCTTTAGGGGT
TTACTTCTTGGTAGCTCAACACATGTACGCTTTACCTGCTTATGCGTTCATAGCACAAAGACTTTACTACTCAAG
CTGCGTTATATACCCATACCAATACATAGCAGGATTCATTATGACAGGAGCTTTTGCTCATGGAGCTATATTT
TTTATTAGAGATTACAATCCAGAACAGAATGAGGATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTA
TCATATCCCATTTAATGGTTTAACTAAGGGCTCTGGGGTTAACGCAGGGTTTTAGGGCGTGGACGGGCAGA

>trans_s_5218 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

ATTTAAACAAGGCAATTGACCACAAAGCTCTACATGATACATTTTCTGCATTTGGTAGTATCCTGTCTTGCAAA
GTGGCTTTAGATTCTCTGGCCAGTCAAAAGGCTATGGTTTTGTGCAATTTGACAATGAGGAGTCTGCTCAGA
AAGCTATTGAGAAGCTGAACGGTATGCTGTTGAATGATAAGCAAGTTTATGTAGGACCTTTTCTTCGTAAACA
AGAAAGAGATGGTGTGTTGACAAATCCAAATTTAACAAATGTATTTGTAAAAAATCTTCTGAGACTACTACTG
AAGAGGATTTGAACAAAGCTTTTTCTGAATTTGGGACACTCACGAGTATTGTTGTGATGAGGGATGCTGATGG
TAAATCAAGATGCTTTGGATTTGTTAATTTTGAAAATGCCGATGACGCTGCTAGGGCAGTTGATGCCCTTAAC

>trans_s_5219 NM_001069841|Oryza sativa Japonica Group Os09g0446000 (Os09g0446000)
mRNA, complete cds

TGCATTTTGAGGAAGAAAATCATAGAACAGCAAAATTGAGATCAAAGGAGCGTTGAGGACTTGAAGGAGGT
GAGGTGAGGTGAGGATGCAAGCTTCAGAGCTTTCGACTCCATCGAATACTTTGGAATGCAAGGACAGGCCCC
AAAAGCCCCCTTTAGGCCTGCTAAAGATGACACCAAGCTTCTTCTCCAAGATCCGATACGGAGGTCAGATCC
AATTGAGACTGAGGAAGCCGTGCTCCGACCACCTCTTCCATTTCTCTCTCCCAAATCTAAGAACCCTTCTCA
AATGGGGTGACAGAAAATGTTGATTCTTCTTATCTTGGTTTTATGTCTGTTCTTGTGATCGCCTTCTGGAATA
TCGAATATTTAATGAAAATAGAAACCCGTTTGGTTTTTAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_5220 NM_103884|Arabidopsis thaliana CLPR1; serine-type endopeptidase (CLPR1) mRNA, complete cds

CAAGGAAGAGATTACTAAAGATATCCAACGATCCAAATACTTCCAAGCACAAGAAGCTATTGACTACGGCATT
GCAGACAAGATTATCACCTCTCAAGATTCCGCCTTTGAAAAAAGGAATTACGACGAGATGCTTGACAGTCAA
AAGCTGCGAGGAGAGGAGCAGGAGGCAATCCACAAGCGGCGCCAACCTGGGTTTCAGATAATTAGAGATAGTC
TATAAGTGTACAAATAGAAGGTTCCATATCCCCACTATTAGCTAGCTACAACCTCAGATAAGCTTTATAATTATT
TATGTCCTCTCTTTTTCGTGTTCTCGGGGTTCTGGTTTACTTCTGAAGCACTTGATAACCAAGCACCACCAATAT
GATCTTTATAGGCCATTGTATAAAAGATTCTCTCATTAAGGCATTATGAATTAATGTGATGTTTTCTAAGCAA

>trans_s_5221 AY527169|Citrullus lanatus var. lanatus NADH dehydrogenase subunit F (ndhF)
gene, 3' UTR; chloroplast

GGATCCGGACAAAATCGATGAAACGGAAGAGATCCGAGTGAATGGAAAGGAAAAACAAAGGATCAAAAG
GTGAAATAAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAACTTCTTACCTCCGGATGGAAATA
AAGAAAATTCGAAGTTAGAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTCTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGACTATC
CTTTTCGACTATAAACGATGGAATCGTCCAGTTCGATATATAAAAAATGATAAATTTGAAAATGCTGTTAGAAA
AAAACAAAGTAAATTAATAATATAAACTAACTAAATAAGCTAAATACAACAAGATATAAGACGAGATTTCGAC
CACCTCTACATATTTAATACTTTCTGCTACAAAAAATTAAGAATACCCACCGCATTTGGTGTGGTTCCTCTAC
G

>trans_s_5222 AY775030|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 19 (ACRE19) mRNA,
partial cds

CCCCTTGCCGAATTCGGCACGAGGAGCTGTGCAGTGGATTCAATCTTCTGATGGATAGAGAGAAGGGAGTGA
TTGATTTTGAGAGCCTGAAGAGGAACGCGGCGGCGCTAGGGCTGGCGGATCTAAGCGATGAGGATCTGAGA
TCAATGTTGAGGGAAGGGGATTTTGATGGTGATGGTGCTCTTAATCAGATGGAGTTTTGTGTTCTTATGTTTA
GATTGAGCCCTGAATTGATGGATGAATCCTGGTTCTTGCTTGAGGAAGCTCTACATCAAGAATTCAAGGATTTT
TGTTGATTTCTTTTTCTTCTTCTTTCTTTCTTTCTTTTATCTTTTTTTTTCTTTTAATTAATTACTGATTTCTT
AACTTACTGAATTTACTTGGAATAAAATTAAGTAAATTAATACTTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5223 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

CGGGGGCGTCCAGGCGGGGCCGGGTCAGCAATTCATGGAAAGATGAATCGAGGAAAACTTATGAATGGAC
CGGCTACAAGAAAAGACCTCATGATAGTCAATATGGGACCTCACCACCCTCAATGCACGGTGTTCTTCGACT
CATCCTTACTTTGGATGGTGAAGATGTTATTGACTGTGTCAATATTGGGTTATTTACACAGAGGGATGGAA
AAAATTGCAGAAAACCGAACAATTATACAATATCTACCTTATGTAACACGTTGGGATTATTTAGCTACTATGTT
TACAGAAGCAATAACCGTAAATGGTCCAGAACAGTTGGGAAATATTCAAGTCCCCAAAAGAGCTAGCTATATC
AGAGTAATTATGTTGGAGTTGAGTCGTATAGCTTCTCATCTGTTATGGCTTGGCCCTTTATTTATTTATAACCG

>trans_s_5224 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

ACTACCACACACTGTTGTGAGGCACCTATCCTACACATTCGATCAAGGTTGTCACTGCGAAGCTATAGTGAAG
GTGCACGGGGTCTTATTACTCGATTGTTGGTACTCCGCATCTTCACGGAGAATTCAATTTACCGGGTCCATGT
CGGAGACAGCGGGGCGATCGTGACACCATTCGTGCAGGTCGCAACTTACCCGACAAGGAATTTGCTACCTT
AGGACCGTTAGAGTTACTGCCGCCGTTTACCGGGGCTTCCATTCAAAGCTTATCACACTTCTCCTTCCGACCTTC
CAGCACCAGGGCAGGTGTCAGACTCTATACATCGTGTTACCACTTAGCAGAGTCCTGTGTTTTTAATAAACAGTC
GCTACCCCTGGTATGTGCCGCTTCTCGGAAAAAACACTCTCTCCGTGGGGAAGAGGGCTTCAATGCC

>trans_s_5225 AY295342|Cucumis sativus poly(A)-binding protein C-terminal interacting protein
243 mRNA, complete cds

CAAAGTTTTGAAAATTAAAGTAATTTATTATTTAGAATCCTGTGAATCGAATCTTTTATGAATGATTTTGAGAAC
CAAATCATTATCAAACGGGTCTAAGCTAGTACAATCTTAGCAAGTTTTATGAACAGAATGAAATTGATTGCTC
TACTTTTCTCATTGTGGAAGTTTGTGTAGCTCCATGTTCTATATTTTGTGATAGTTGATTTTGTGTTGTTCA
AAAGGTCCGTAGATCAGTTGTATAACACATTCCAAAACAATGGCTCTAGCATCTGTTGAAGGAAGTTCAAAG
CTAAACCCGAACGCCCCGCTTTTCATCCAGCCGCATACCAGGTGGAGGATTTCTCCCCACAATGGTGGCAACT
GGTGACAACCTCGACATGGTACCGTGATATGACGCTGAGCCAACACCAGTCCTCTCTATCAGGAG

>trans_s_5226 AY527169|Citrullus lanatus var. lanatus NADH dehydrogenase subunit F (ndhF)
gene, 3' UTR; chloroplast

GAGGCGGACAAAATCGATGAAACGGAAGAGATCCGAGTGAATGGAAAGGAAAAACAAAGGATGAATTCC
ACTTTAAAAGGACACGCTATCAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAACTTCTTACCCTCCGGATGGAAATAAA
GAAAATTCGAAGTTAGAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTCTTCTGGTTTAAAAACCTCTTGTGACTATCCT
TTTCGACTATAAACGATGGAATCGTCCAGTTCGATATATAAAAAATGATAAATTTGAAAATGCTGTTAGAAAA
AAACAAAGTAAATTAATAATATAAACTAACTAAATAAGCTAAATACAACAAGATATAAGACGAGATTGGCCC
CTTAGTGGTATTTCACTTTCGCCTTTCGGCTCCCACTTATCCTACACCTCTCAAGTCATTTACAAAGTCGGAC

>trans_s_5227 AY147524|Curculigo capitulata photosystem II CP47 protein (psbB) gene, partial cds;
photosystem II subunit T (psbT) and photosystem II subunit N (psbN) genes, complete cds; and
photosystem II subunit H (psbH) gene, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

CAATGTACTTTTGCACAAAACCAAAGCAACCCAACCCTGAGAGAAATAAATGAATTCCAAAATCTTCGGCA
AATCCAAAGAAGGTTTTCTGTACGTTTCATCACAAAATATTTCTAGATCCCAATACACCCAATGCCAGATAGCT
GCTAAGAAGCACAATCCAGAAAACACAATATGTGCTCCGGCCACACCTTCGTAACCTCAAATACCCGGATTGCG
TTATAGTCCCTCCTGTGATACTCCAACCCCCCATGAATTGGTTATTCCTAAACGAGTCATGAAGGGTATAACG
AACATACCCTGTCTCCACATTGGATCAAGAACAGGATCAGAGGGATCAAAAACCTGCTAATTCGTATATTTAAC
GGTCCAATTAACAACCAGCAACTAGAGCTGTATGCATTATATGAACAGAAAGCAAACGACCGGGAGCACT

>trans_s_5228 Novel Gene

AAATTGAAGCGATTGGGAAAGAGAAAAGCAATTTGAACCGCTCACATCACAGTAGTAGCAAGTCAGTCG
GGGGAGAAAATCAGGCTATTACTTTACATCTCTCTATCAAAAGATATCTATCTATCTATCGAGATCCGCTG
CGTGAGCAACCCGACTGTGCCTGACATGTGCTCTACAGGCCGCACTCCTCTTCCCAACGAGCCCATTTTTTGTCT
TTTTGATTTGGAAGAGTTCGTATAGATTGAGTTTCAGTCTGTCTCCAGATAGGGCCCCGCTAGCTAGTGAGCGG
TTCTTTCGGGCGAGAAGCAGGCATCTCCCGCAACGCAAGCAGCATTCTTCGCCACTATCCGAGAAGCAAAAAGA
TGAGAGAGTCCAGGCTGAAAATACATGCATAGATAGTGGTCTAATGACAAGGGCCGAGGAA

>trans_s_5229 DQ148271|Beta procumbens nematode resistance protein (Hs1pro-1) mRNA, partial
cds

GACCCACAGATTGCCGGTTCGCGTACGGACGTGGATCAGACAAAACGGTCGATATGAACCGGAAAGTAATCT
CCAAAGCCTGTAAACCCGGCTTCAACACCGACTCATTCTCCATTCAGGGAACTCCTTAGAACTCCATAACTTC
CTGAGATCGTTGAGACGAAGGTACTGTTTCGTATGAGGAACAAGAGGAAGGTGAAGCAGTGGAGAGCTCTGA
AGAGCGGAAGGAAACGGGAAGAGATAGATTAAGCTTGTTGTTGGCGATGGGGATGATCTTAGGGGATTAG

TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTCTTGTCGGAGGAAACCATGTTTGCCTTCCAACCCAAATCAACCATCTCTGA
TCCGAGATCGAATAGTGAAGTGAATTTTCGCTATTGTGGAAAAAATGGGTCAGAAGTCGGGGTTT

>trans_s_5230 NM_101122|Arabidopsis thaliana phosphate translocator-related (AT1G12500)
mRNA, complete cds

CTCCTGGCACCTTTCCAACATCGTTTTCTCTCTCAACAAGTACCTCCTCAGCTTCTATGGCTTCCGAGTCCCC
AGCTTCCTTACCATGCTCCACATGATTTCTGTACATTCTACAGCTACCTCTCTATTCTCTTCTCAAATCGTAC
CCACCCAGCAAATCCAATCTCGTACCCAATTTCTTAAAATCCTCGCTCTTAGCGCCATTTTCTGTTTCTCCGTAGT
CTGCGGCAACACTTCTCTTCTGTTATCTACCGGTTTCTTCAATCAAGCCATCGGCGCAACTACCCCTTTCTTCAC
TGCCATTTTTGCGTTTCTGATTACTTGTAAGAGGGAGCCTGCCGGGGTTTATTTAGCGCTTTTGCCTGTGGTGT
TTGGGATCGTTTTAGCTAGCAATAGCGAACCTTTGTTTCACTTTCTTGGG

>trans_s_5231 EU024570|Chenopodium quinoa salt overly sensitive 1 (SOS1) gene, complete cds

GCTTCGAAACTCAGCCTTAATAATAAGAAATTAACCTACAGCACAAACAGAATTCACATCAATTGTAGAGTTCTC
GAAATAACCCACATGATTACAGAAGCAACATTTGAAGAAATTAGGCTGAGAAGAAAATGAATAAGCTAACCTG
ACGAAATAATTTGAAAGAAGGAAGATGTGGCAATGTCAAATCAGAACCTGGACTAGTCCAAAACATAATGC
CACTAGAGACTGTCATAAGGTACAGAAGAATAAATGTTGTATAAGATCACAACCTGATTACACGTTCAAATGCA
AGGATAGACGAACAAAAACAACGGAATCTCAAAGGGAAAATGTAAAAGTATCGAGCAGAAAGAAGTTGATA
GTTGCTATGGCTATGTCATTATGTAGCAGTTTGATCTTCATCGGCAGCGGGAGCAACAGTTGGC

>trans_s_5232 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted
repeat, complete sequence; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGTAGAGCAGCAGGTGCTGTAGCGAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATC
GGCCACATTAAAATTACCTTCTGGGGAGGTCCGTTTGATATCCAAAATGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTG
GGGAATGCTGGGGTAAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTA
GTAAGAGGAGTAGTTATGAACCTGTAGACCGCTTTTGTGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAG
AAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGA
TAATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAACAAGAGAGAAAATCTAATTTGTTTCTTGGGGGGGTCC

>trans_s_5233 XM_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

AATATCCAGCTTGTTCTCTTCCACCTTTACACCTTAAACAAGGCAAAGCTCCAGGGTCTAAATGTCACTGATGT
GTCACTTGCTGTCATCGGACATTACGGAAGAGCAATCACAGACCTTACGCTTACTGGCCTGACAAATGTTTCTG
AGAGGGGATTTTGGGCCATGGGTAATGGTCATGGTTTGCAGAAGTTGAGATCATTTACCTTAGTTCCTGCCA
TGGTGTGACTGACGTTGGGCTACAATCGATTGGGAAGGGATGCCCAAACATGAAGAAGTTCTGCTTGCGCAA
ATGTTTCATTTTGTCCGACAATGGAATGGTCTCTTTGTTTCAGGCTGTACCTCCATCGAGAACTACAACCTAGA
AGAGTGCCACAGGATAACCCAATTGGGTTTATTTGGAACCATCTTAAACTGTGGTG

>trans_s_5234 X80469|T.durum mitochondria genes atpA and atp9

ATCTCAGGAACCGGCAGCGGTATCACTACCAAAGACAACAATGCCTACATTCTCATTCTCAAGATTTAAGGCTA
TTCCTTTGACACCGCTGGAAAATCCACCATTTCCCGAGTTGAATCTCCTTCAATCCCGCCCTCGGGCAATTC
CATCTCTACAGATAGGACTCGACCCATCTCATCCACTTTCAAAGACGTTTTGAAGTTCGTAATTCTACCTTCTA
AGAAAGTTGTTAGTTCTGCTGCTCCAAGAGAGAAGATGACTGTATGGGCGTTTCACTATACGCCTAAGTCGT

CTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTAGAGATAGATAATAGCAGCCATTTTGAGATTGG
TCGGGAAAGGAAGGGCTAGCAGCCTCGTGGGACTGGATAGCCCTTTGTCCCCTC

>trans_s_5235 AJ309069|*Sesbania rostrata* mRNA for lipoxygenase

CGTCCCTTTTACTTATCCTAGTAAACGTTTATGCTCGATTGTGATAGTCTCCAAGAAGAATTCCTGTTGATGCTT
GTTGGTAATTGTGATGGCTCCAGGCTCTCCAAAGTCCGAGGTGAGTAAAAATTCTATCGCGTAATTTACCCCTCT
CGGCTTTTAGATTAGTTTTCTTTGACCAATCTTTCAAACAGCCTCGTTGCTTTTCTTTGGAGCGTTTGTGTTTTGG
GTCAATCTCGGTGCTGATGAGTTGGAGAACAACGTTCTGGCCAATCCTATCAGTGAGAGCATCCAAATGCTTA
ACAATAGTTTTCTTTAATGTCTTCCTTGTCTTGTGTTCTGATAGTTACAACGGCTCTGACCTTGACTTAACCGGCT
TCTCGTCCAAGGGGACAACCTTGACTAAATCCTCACTGATAGCAGCCACA

>trans_s_5236 AB022325|*Arabidopsis thaliana* chloroplast genes for pClpP and 30S ribosomal
protein, complete and partial cds

TAAGACAATAAACCCGTTGTTACGCTTCCACATCAAAGTTAGCTATAGTACTTAATTCTTTTTCTTTGCTTTAAT
GCCTATTGGTGTTCAAAAAGTACCTTTTCGAAGTCCCGGAGAGGAAGACGCATCGTGGGTTGACATATACAAC
CGACTTTATCGAGAAAGATTACTTTTTTTAGGCCAAGAGGTTGATAGTGAGATTTGAATCAACTTATTGGTCT
TATGGTATATCTCAGTATGGAGAATGATACCAAAGATCTGTATTTATTTATAAACTCTCCCGGTGGAGGGGTA
ATAAGCGGATTAGGTATTTATGATACTATGCAATTTGTGCAACCACATGTACAGACAGTATGCATGGGATTAG
CCGCTTCATACCCTAGAAAATAAGATCAGCCTCTCTCCCGGCAACCCATGAGCTA

>trans_s_5237 NM_103905|*Arabidopsis thaliana* ALATS (ALANYL-TRNA SYNTHETASE); ATP binding /
alanine-tRNA ligase/ ligase, forming aminoacyl-tRNA and related compounds / nucl> (ALATS) mRNA,
complete cds

AAGTTCAGAACAATAATAGTCAATCATCGTTGGCTTGAAGATTGCATCAAACATGGAAAGCTCTCTCTCTCTCT
CTCTCACGCACACACACGCAACACCCACCCACAGCCACAGCCACAGTCACTTGCTGCTTGAATGATGGTGTTA
CTAATAACATTTTCATGATAGTTGATGGCAGAAGAGAGGGGCCTGCTAGTTGATACTCAGGGTTTTAAACAATG
CTATGGATGAGGCGAGCGAAAAGATCAAGAAGTGCTCAAAAATAAGCAAGCAGGTGGTACAATTGCCATGGAT
GCTGATGCTACAGCAGCATTGCGCAAACAATCCAAAAGTCTATTAGTTGCAGTTTTAGTTATTGTTCTCTCAAT
ATATTCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTTTTCCAAAGGATGATCAGTGTAATAATTAA

>trans_s_5238 GQ998201|*Euonymus americanus* voucher FLAS:W.S. Judd 8071 ribosomal protein
S11 (rps11) gene, complete cds; chloroplast

CAAAACCCATACCAAGAATCGGTTACGTAGAAATGGACGTATTAGCTCACGTAAAAGTACGCGTAGAATACC
AAAGGGCGTTATTTCATGTTCAAGCAAGTTTTAAACAATACAATTGTGACTGTTACAGATGTACGGGGTCGGGTA
ATTTCTTGGTCTCCGCCGTACGTGTGGATTCAAAGGTACAAGAAGAGGGACACCATTTGCCGCCCAAACCG
CAGCAGGAAATGCTATTCGGGCAGTAGTGGATCAAGGGATGCAACGAGCCGAAGTTATGATAAAGGGCCCC
GGTCTCGGAAGAGATGCAGCATTAAAGAGCTATTCGGAGAAGCGGTATACTATTAAGTTTCATACGGGATGTA
ACCCCTATGCCACATAATGGCTGTAGGCCCCCTAAAAACGACGTGTGTGGGTAAACATT

>trans_s_5239 AJ316582|*Atropa belladonna* complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

ACCGACACTTGATTTGAGCTGGTCACACTGTGTCCAATCCCGAAGTTAGTTCTATACATATGACCAGCAACAAG
AAAAATAAATGCAATAGCTAAATGATGATGAGCCATATCAGTCAGCCATAAACTTTGCGTTTGCGGATGGAAT
CCACCGCTCCTTTGGCTCCGTTACTGGAAGTAGAAGGATTTTCATGGTTTTAAATGATTATTCGAATCGGGGTT

TTGAGCATAAAGATTCCACTGACCTGTAAAAAGTGGTCCTAATCCTTGGGGATGTGGCAATACATCTAAGAAA
TTATTCCATCGAACAGATTCTCCCCTAGATGCAGGAATCCGCTCATGGACTAAATGTCTCACTCAAGCCAAGGA
ACTTACTCCGAATAGTCCTGACAAATGATGATTGAGACGAGATTTCGGCATTCCGA

>trans_s_5240 GQ984144|Castanea mollissima aspartic proteinase 2 mRNA, complete cds

GGTCGACGATCGAGTTCAGTTTTGGTGGCCTTTTTTATATATATCTGCTCTAGGATTTTTTACTGAGTGAGCAA
CATGGGTACCAGACTCAAGCTTTTTATAGCCGTTCTCTTCATTTGCTTCCTTATGTTTCCAATGGTTTTTGTGCA
TCCAATGATGGGAAGGTTAGAATTGGACTIONAAAAGGAGGAAGTTTGGCCAGAACCACCGAGTTGCTAGCAAG
ATTGCAACCAAGGAAGGAATTTCTTTGAAAAAGGCTGTTGGGAAATATCAACCTAGTGCGAATTTGGGAGATT
CGGATGATTTTGATATTGTTGGATTGAAGAATTACTTGAATGCTCAGTATTTTGGTGAGATTGGTATTGGTACT
CCCCCTCAGAAGTTTACTGTTGTTTTTGACACTGGTAGTTCATTAAACACCCAC

>trans_s_5241 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

ATCGCCCTGTTTCAAATGAGACCCGCGTGGGTTATAAAAAAACGATTTATTCTTCTTCCACTATTCTTTCTT
TTTCTTACGACACGACAATCGAATCTAGATTTTCGGATTTTTCGAACAAAGAATCAATCTGCGGTTGAGTTTGG
ATTAGAATTTTAATTCAATTAAGAGTAAGCTAAGTCTATTTATTCCTGGTCTAAGACCAATAGTTCTAGCGGT
CGACTCGCTTCTTTCAAATTGTTTCTCATTATTAAGAAAAGGTAACAAAGATAAAATACGAGCTTGTTTTATAG
CAATAGTAATTAAGCGTTGCTGTTTTAAGGTCAATCTATTTACCCGCTAGATAATATTTTCTTGTTCACTAAT
AAATCGACTAATTAACCTCATGTTTCTATAATCAATGAGATTAGAGATA

>trans_s_5242 NM_001036140|Arabidopsis thaliana LHCA3; chlorophyll binding (LHCA3) mRNA,
complete cds

TAGGGGTGCAGAGATGAAGGAAATTAAGAATGGAAGGCTAGCAATGTTGGCAATTTTGGGTTACTTTATACA
AGGTCTTGTTACTGGTGTGGACCTTACCAAATCTTTGGATCATTGTCTGACCCTGTCAACAACAATATTTT
GACCAGCCTTAAATCCACTAGAAGGGTTTATATGTGAATTGTAATTTGTGTAATGTATATTAATATGGATCAC
AATCCCCTTTGGGTTGCTTTGAGCTTTCAAAAATTGTTTCCCCACTCTATTGTAACATGATTTGAGGAAAAAC
TTTTCTCTAATATTTGTCATCTTCTTTGTAAGAGTATGGGCATACGTATATTTAAAAATTAGTATAAGATTCT
ACAAGATATTTTATATGAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5243 NM_001070857|Oryza sativa Japonica Group Os10g0209700 (Os10g0209700)
mRNA, complete cds

TCAGGTCATTGTAAAAGGTGTTATGGATCCGGCGAGGTTAGTCGATCATGTATCGAAGAGAAGCAGAAGGCC
AGCTTCCATCGTAGTGAAGGAGGAAGAAAAGAAGGAAGAGGAGAAGAAGGAAGAGGAAAAACCAGCAGGT
GAAGAGAAAGCAGAGGAGAAAAAAGAACTCAGGAAGAAGAAAAGGAAGAAGATGATAAGAAGTTCGATA
TAAAAAGGCTCGAGTATTGGCCATCAACCAAATATTACACTGAGTATGCCTATGTCCCAGAAAGACTTTTCAGT
GATGAGAATCCGAATGCTTGTTCAATAATGTAGACTGCAATTCATTTGTAGTTTGGCTCAAATTTGCCTTCG
TTTTGAATCTTCTGAGATAATTTGTAATTGTGTTAATGCATGCAAGGTTAATGGTTAAAAAA

>trans_s_5244 FJ231526|Melaleuca quinquenervia chlorophyll a apoprotein A1 (psaA) mRNA,
partial cds

TTTTGGACCTTTATGAGCCTCTAAATATCTTTTATACCATGACCAATGCCCCAGTTGGTCTATACATGTGACC
CGCTATGTTCCCCTCTATGCAATAGCTAAATGATGGTGTGCAATATCGGTTAACCATAGACCCCGGTTACTGG
ATCTAACCCCTCCGCGAAAAAGTAAGAAATTCCGCATATTTTGACCAATTCAAAGTGAAAAATGGGGTTGCTCCCT

CAGCAAACTAGGATAAAGTTGCGCCAAAAGATCCCGATTCAAGATAAATTCATGAGGAAGTGGAATCTCTTT
AGGATCTACTCCAGCATTTAGAAATTGGTTAATCGGTAAAGATACGTGGACTTGATGGCCCGCCCAAGAAAGA
GACCCAAGTCCTAGGAGACCCGCTAAATGGTGATTCAACATGGATTCTACATT

>trans_s_5245 Z70241|Olea europaea cox3 gene (RNA editing)

TGAAGGGGGGGTTTACATACAACCGAGGCAAAGTGGTTTATGATTGAATCTCAGAGGCATTCTTATCATTGG
TAGATCCAAGTCCATGGCCTATTTGCGGTTCACTCGGAGCTTTGGCAACCACCGTAGGAGGTGTGATGTACAT
GCACTCATTTCAAGGGGGTGCAAGACTTCTCAGTTTGGGCCTCATATTTCTCTATATACCATGTTCTGATGGT
GGCGCGGCGTTCTACGTGCCGAACATGGGGAAGGACATCATACCAAAGTCGTACAATTAGGACTTCGATATG
GTTTTCTTCTCTTATCGTATCGGAGTTATGTTCTTTTTTCTTTTTTTGGGCTTTTTTTCATTCTTCTTGGCAC
CTACAACGCTCTACGGAGGTATTTGGCCCCCAAAGGAGGGGGGGTTTTAGC

>trans_s_5246 FJ455446|Nicotiana tabacum NTHK1-interacting protein 2 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCAAATTTGAATTTGAATATTATTTAAAACAAGCGAAAGAATTGAGCA
CAGGACACTCTTTTGCCAAGTAGCAACACAGTACAGTATCTCAGGCACAATGCAAATAACAAAAGGCTCACAC
AGCACACCTCATAATAAGAAAGGATTTGTCTACTATATAGCATTCTAATGAAAATCGCATTACTTAATTTAA
GTTGATTAACTTTTTCGAACGTAGATAATCACAACTGGAACGCCTGTGGTGTGAGCGAATTGTGACACAAA
GTATTTCCAGTGTCAACATTTACAGAAAAACATCCTTCTCGAGCAATTTAGCACCTCATGTTGGTTGTTTA
GCTTGGCAACATCGATGGGAGTCATTCCATCCAAGTTTTGGAGAGTGACT

>trans_s_5247 Novel Gene

ACGTGAGGTTGCATTCACACTCACACAGAGCGATATCTCGTCTCGGGGGCTCCCGTCCCCCTCTTCCCCTCACTC
TCCTTTCCCGCTCCGTGGGATTCACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACTCGGCCTGGTCCGGTCGCCCTACG
CGACTGGCGCGGCCGAAAGGCGAAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGGCGGACACCTTTT
TTTGTTATCTAAAGCTTTGACTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGGCTCCGGCTCCG
CGCACCTGCTGACACCTTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTGTTTTCGAATGTCTCGTTCAGCCTCACGA
GTCTACAAGCCTTTCTCATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGGTCCCGAGAGA

>trans_s_5248 AY865171|Lactuca sativa chloroplast inversion region

CTTCAGGCAGAAACGGGATATGATGAGTGGTTGGCTCTCGCTATATATTACGCTACCAAACACTCATTTTGGTT
AAGTTTTACGACAATTGGGCACTCACATCTTCCAAAAAGTGAAGTATTGCTAAGACTTTTTCAAAAACCTACC
CATGTCATAAGAGTATAGATTACTATGGACCAACTAACCCAATGACTATACATGATTCCATAAATGAATCAATT
ACATACCAGTTCCAAGAAATTAGAGGTTATGGTAAACTTCGTTTAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGTGCG
ACTTGAAGGACATGATCCACTGTGGATTCTTACCCCACCATTTTATATTATATAGGAATGAAGATGCTCTTGA
CTCGACATAGTTTGTTGCGTTGCACTCGAGCTCTTTTTTTTTTTTGACAG

>trans_s_5249 DQ125945|Populus tremula x Populus alba glutamate decarboxylase mRNA,
complete cds

GGTTTGGATGGATTGTGCCAGCTTACACGATGCCACCAGATGCTCAGCATATCGCAGTGCTGCGAGTGGTGAT
TAGAGAGGACTTCAGCCGAGTTTGGCGGAGAGACTGATCTCGGACATTGACAAAGTCTTGAAGGAAGTCGA
GGCGCTGCCGATACGGGTGTCTTTGGCAGAAAGTGAAGCTGGAGTTGAAGATAGTGGGAGAGTTAGAAAGC
ATGTGAAGAAGAGTGAACGGGAGATTGAGGAGGAAGTAACATATTGGAGACGGCTTGTGGATGGGAA

GAGAACTGGCGCTTGCTAGTGAACCTCTGCCTAATCCAATTCTACTTGGCTTGTGGTCGGTGTTGCTTTTTGA
TTGTCTTTCAGTTTGCTTCTTCACGATTGTGCAATCAGTGTGTTGTGACTTGTGTGCTGT

>trans_s_5250 Novel Gene

GCTGGTTGCTCCGAGCGCGGCATGCTAATGGGGCAAGTATGTTTTTCATTGTGGTTTACCTTCATATTTTCGT
GGTTTATATTATGCGAGTTATAGCAGTCCTAGGGAATTTGTTTGGTGTCTCGGAGTTCTCATCTTCCTATTCATG
ATTGTGACAGCTTTCGCGAAGCGTGTACTACCTGGGGTCAGATGAGCTTTTGGGGAGCAACTGTAATTACAA
GCTTAGCTAGCGCCATACCCGTAGTAGGAGATACCATAGTGAAGTGGCTTTGGGGTGGTTTCTCCGTGGACAA
TGCCACCTTAAATCGTTTTTTTAGTCTGCATTATTTACTCCCTTTCTTTAGCAGGCGCCAGTCTTCTTCATCTG
GCCGCATTGCATCATATACCTAGTGCGCCGAACGTGGGTGTACACCTG

>trans_s_5251 AJ438263|Nicotiana tabacum mRNA for protein kinase CK2 alpha chain (ck2A3 gene)

GATCACCAGGATAGGCTTACAGCAAGAGAAGCCATGGCACATCCATATTTCTCCAAGTGAGGGCTGCTGAA
AATAGCAGGATGCGAACACAGTAGTAGTAATTAGATTATGTGGAGTAATGCATAACCCATAGTGTATATTTG
CTATGGGATGTTTAAGCGTTGGTGTACTATAGAAATATGAGCTGCCCTGTATTATAGTTTAAGAAACTGAAG
CTAAAAGGACTTCTATATTATTTTTGAAGTCGCTTTTCATTGTTCTGGAGGAACGGTATGTAATGTGCAAA
TTCTGAAGCGTGTATGCTGGTGCATTCAACACTTCAAGTATTGCCATATTCTTCGTGAAGATCATTAAATATATG
GTCAAAATAGCAAGTTTAAGCTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5252 EU494948|Actinidia eriantha xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 3 mRNA,
complete cds

TCTCTGTTCTAAACCTCTCTCCCATGGCTTCCTCTCTACTTCTACCATTATCGCTTTCTTCTACTTCTTGCTTTT
GCTTCTTCTTCTTCTTCTTAAGTTTGATGATCTTTTTCAACCAAGTTGGGCTCTAGATCACTTCAATTACAATG
GAGATACCCTTCAACTTAAACTTGACAATTACTCCGGAGCTGGGTTTTCATCTAAATCAAATACATGTTTGGG
AAAGTCACCATTCAAATTAAGCTTATTGCTGGAGACTCTGCTGGAAGTGTACAGCATATTATATGTCATCTGA
TGGGCCAAGTCATAATGAGTTTGATTTGAGTTTCTGGGTAATACAAGTGGAGAGCCATATACTGTACAGACC
AATATTTATGTGAATGGAGTGGGAAATAGAGAGCACCTCGTG

>trans_s_5253 AB207917|Artocarpus heterophyllus chloroplast rbcL, accD genes for ribulose-1,5-
biphosphate carboxylase/oxygenase large subunit, acetyl-CoA carboxylase beta subunit, partial cds

CTATCCCTAACTAAAAAGTGTCATCAGATATGAAATTCCGAATGCCGACTAAATCATCAACAGTACTGTAAC
AGAATTGTAATATCACTATGACTAGGAATGTTTTATTCATATTATTTATAATTGATCCTTCACTTCAATAGG
ACCAAGACTATTGATTGATTTATTTAGCCTACACCTGTAGTCATCCAAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGT
TAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATAGGATCTCAAAAACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGT
GGTTCCTCTACGCTAGGACACCAGAATATCCCTCTTCCCTCCCTGCTCCTTTAACGACCCACTTTCCTTCAAC
TTCCCAAATCATTCCATTCTCAATTCCTTGCTACGAATACTTT

>trans_s_5254 GQ998726|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase
CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

CATGTTTGTTAAATAACATTTGAAAGTTCTAAATTTATTTATACTTTACTTGTTTTCTTTATACTTGGTCTTGA
AGTAGAAAACGTTCCATCTGTTCTGAATAGCTTCTTCAAAAGGGCTTCCGCTTCATTGGTCAATGTCTTCGTA
GAAGAGATTATTTCTTGAAACTGAGGTTTATTCGTTTTACGTAAGTACGTAAGTCAACAAGAAATTTCTTACT
TGTCCAATTTCTAATGAATCAAGATAACCATAGTTCGGGTATAAACAGTCATTATCTGTTCGTCTACCGTGAG

AGGTGCTGATTGGGATTGTTTGAGCAACTCACGTAATCGTTGACCTCTTGCCAATTGATTCTGAGTAGCTTTAT
CGAGATCAGAAGCGAATTGCGCAAAGGCTTCTAATTCGGCAAA

>trans_s_5255 AY271676|Cylindrocystis brebissonii 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGGAGCCTGCGGCTTAATTTGACCCAACACGGGGAACTTACCAGGTCCTTACTCCCGCGGCTGCTCCGCCA
TCACTCGCTGCCGACGCTGATCTCTCCTCTCTCTCTCTCTCTTGTAAACGCCGTCGTATCCCCCCCCCCCCAA
AACCCCATTCCTAATTTCTGCCTGTTTCGTGTTTTCTTACTGCTTTTGAAGTTCGACAACAGAAACGACATGTA
GTTCTGGGGATTCTTTATTTTAATATTACCTTTTTTTTTTCGTTCCGCAATCTAGGGTGTGAAAACGACGTCGT
TTTGTTAGTTGGCTATTTAATTATGATAATGATGTGTACTTTTTATATCTGAATCTGATTATATAAATCAAGATT
GTTTTCTTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5256 GQ998096|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 cytochrome b6/f complex
subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCGTCTAGGTACTATTGCATGTAACGTG
GGCTTAGCGGTTCTAGAACCATCAATGATTGTGTGAACCCGCAGATCCATTTGCAACTCCTTTGGAAATATTGC
CGGAATGGTATTTCTTTCCCGTATTTCAAATACTTCGTACAGTGCCACATAAGTTATTGGGTGTTCTTTAATGG
TTTCCGTACCGGCGGGATTATTAAGTGTACCATACCTGGAGAATGTCAATAAATCCAAAATCCATTTGTCGT
CCAGTAGCGACAACCGTCTTTTGGATTGGTACCGCAGTAGCTCTTTGGTTGGGTATTGGAGCAACATTACCGAT
TGATAAATCCCTAAGTTTGGGCTTTTAATTTAACAGTCTACTTG

>trans_s_5257 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

AGTCGGCCATAGTGATCCGGGGAGTTCGGTGTGGAAGGGCTCTCGCTCAACGGATCAAAGGTACGCCGGGG
ATAACAGGCTGATGACTCCCAAGAGCTCTTATTGACGGAGTCGTTGGCACCTCGATGTGCGACTCATCACATCC
TGGGGTTGAAGAAGGTCCCAAGGGTTCGGTTGTTGCGCGATGAAAGTGGTACGTGAGTTGGGTTTAGAACGT
CGTGAGACAGTTCGGTTCCTATCTACCGTTGGTGTGAAAGGGAGAACTGCGAGGAGCTGGTTTCGACGTAGA
GAAGTCAAGTTGGGCCAACCTGCAACACACCGGTTGTTATGCCAATAGCAGCGCCGGGCAGCTAAGTTGGTA
TGGAAGAACCGCTGCGCCGCGGGAAATCCTTCTCTATACAAGTTCTCGGACGAGG

>trans_s_5258 AF279250|Vigna radiata LHCI type I chlorophyll a/b-binding protein (CipLhcb1*3)
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GGAGGTGACCGATCCCATCTACCCAGGCGGTAGCTTTGACCCATTGGGACTTGCAGATGACCCGGAAGCCTTT
GCAGAGCTCAAAGTGAAGGAGCTGAAGAATGGACGATTGGCTATGTTCTCCATGTTTGGATTCTTCGTTCAAG
CTATCGTCACCGGAAAGGGTCCACTAGAGAATCTTGCTGACCATCTTGCTGACCCAGTCAACAACAATGCTTG
GGCTTACGCTACCAACTTTGTTCTGAAAAATGAGTCAAATAATGTATAGCTTCATGCGCTTCAATCACTTCCCC
TTTCAACTAATTTGAGTTTGAAATGGAATGACGAAAGAAATCATCCATTGTAACATTTCAATTCAAATTAATG
AGATCAAAATTGTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5259 Novel Gene

ACCCTCGACGGCTATCAATTCTCAAATGAGCGGTTTTATCATCCGTTTCATGGGGTTTTTACAAAGCAAAGCCCCG
ATAACCCGATTTAGGCAAAGGAATGGGTGATCGGAGGAGCCACCACCGGTGGCGACAGCAGCAGCGAAG
AGGAAGACGGCGACGCCAAGTGGAGAGCTGCCATTGACTCTGTTACTGTCTCCTCTGTGTTTATCTCGTCCTTA
ACTAATGGTGTTCCTGCTACTTCCATAAACACAACCTTGAAGTTTGATGATGATTTTGAGCTTAATCTTCGTGCT

CAGCCGCCCAAGCCATATCAAATCAAGGCACAAAAGCTATTGGATAATATTTTGGAACTACTCTAGAGTTGG
TGGAACATTCCAATTCTGTTCTTGTCATGATGATTCCAAATCCAGC

>trans_s_5260 XM_002882682|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata initiation factor 3g, mRNA

GTGCTGTTAGCCGAGTTTATGTTGCAGTGGACCAGAAGACTGGTATGAGCAGAGGATTTGGTTTCGTGAACTT
TGTGAACCGTGAGGATGCTCAAAGAGCTATCAACAACTGAATGGATATGGTTATGATAATCTCATCCTTAGA
GTTGAGTGGGCTACTCCAAGGGTTACTTAAAATGCCTTCTTTTATACTCTTTATCTTCAAACCTCAGTGTGATT
TGTTTACTATTATAGCAAGACCCCAACATTTTGGTTACTTAATTATGTGTTCTTGAGGTTCTTGTT
GAAAAGAAAAATGGTAAGTTGAGGACTTCTGTACTTGTATGTTTGAGTTTACTTTCGTTGGTTAAAAATCAGAA
GGAATGGTTTTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5261 Novel Gene

ACCTTTGTTTGGCTAAAATCTCCAGGTAAGAGATTCTCCTACTAGACCTTCGAACTGAATTCAAGAGACCGCAT
GTAATTATGATTATGCATTGATGGTAGCTAAAATGCATAATTTGATGATAATGATTATACTGAGATTATGATGA
TAGTTGATGTTGATGATGACTGAGATTATTATGTTGATAATTGATGATGATGACTGATGTTATGTTAATGA
CCGATAGTATGTTGTTGATGACTGTTGATGATTGTTAATGCATGATATATTAATCACATGATTAAGGACGTAA
GATTAATACTCATGTCATGTTATGATGTTATGTTATGCTACATGCTATGGATAGGGTGTCTGTTAACTTTGTCT
ATTAGAGTCGTACCTGCATGGGTGTCCTTCTTCGCACCACC

>trans_s_5262 GQ997886|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 photosystem II protein
D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

TTCTTCATCGATGATAGAGCCGAGATATCACAAGGGTCTATTAGTCCGAAAGCACCGTGGAGAGCAACAAAA
GTCCACAGACCACAGCCGTGACACCAACGAGTAAAATCTCCTTGCTTCAGGGCCCCATAGTAACAACAAAG
AGTGGGCTAACTATTAGCAGGAGTCGAAACTGCGGCGGTTAAGAAGTTGCATCCTTCCAAATAGGAACTTG
CCAATCCATGGGTATACCATGAAGTTACAAAGGTTGTACCTGTAAACCAACCTCCGACGGCAAAATAGGCACA
AGGAAAGAGCAATAGACCGGACCAACCTACAAAACGAAAGCCAGGGAAAAAGGGGAGAAGTATTGAAATA
CGAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAAC

>trans_s_5263 X03853|Pea chloroplast gene for ribulose 1,5-bisphosphate carboxylase (rbcL)

CCTTATATTTTTTCTACTTCTTCTTAATTTCTTCTTTACCTACATCTTTTATGTCTATCTATGTTGATTATCTCT
ATAGTGCCAATCTAAGTACGTAGTTTTTTTAATCTTTTCTATTATTTAATAGAATTTATTATTAGAAATATT
TTCTCTTATTCTATTTTGTTAACTTTATCTAGTTAAATATAGTTATTCAACTCAAATTGTTATTTCATTTGTTTTT
ATTCATTTATAATTCTTTTGTTTGTCCATCGCGCGGTTTTTCATTATTCACATTAATATTGACAACAGTGTATC
AAACAAATATAATCCGATTGTGTATAAATGAAGCTAGTTATCTCCCTTCATGACCTTGCTTTTCACGCACATG
ATGGTCTCACTCACAGACCAGTGTGCGGA

>trans_s_5264 AM489938|Myrcia pubipetala plastid external transcribed spacer, ETS, specimen
voucher Lucas 86 (K)

AATCAGGCTTGAGTTCGAGCGGTCACAATCGATCGGTTCTTGCATCGGTACCTCACTCGATGGAAGCGTCGCG
TCCCGTTGGCCCTTTCTGTCGACACCCATCTTTGGGTGGACAACGAACCCGATAGCCCGCATCGGTTCCGCC
TTGACATCTTCGGTTGTCATTGCGGGCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTCGGTGGCA
TGATAAGTCCCTCGAAACGTGTTGCCTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGATTGCTCCAA

TGCCACCCAATACCAATGCATGCATAAAGAAAAAGAGGGGGAGAGAACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTA
GTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATCGTACACATTCATACT

>trans_s_5265 AM111319|Plantago major partial mRNA for Nucleoside-Diphosphate-Sugar
Dehydratase (nsd1 gene)

GACAGACACAAAAGTAGTGGATTACTTGTATTCTTCCCTTACTTGTAGTCCAAGCTTGATATTCAATCATTTTAC
ATATAACAAAGTTCTTCCCCAACAGGGCTACACATATTACCTATCCAATAACACATTTCAAAATCAAGAAGAG
AAAAAAAAAATGTTACTAATGTGGGACTTCATCCATCAACATATTAGTTATAATCTCAGAAAAGAATTGGAGA
AAAGCTTGACACAGCCACATATTACAAATAAACTCCTGTAAAGAGTCCGAGAAGAAAAGAAGAAGGAAG
AAAAAATGACCCAATCGAGAAGAGCATCACATTCTAGCTGGATGCAGCTGGTTTTGCTGTTGCCTGCTT
GATGGCCTCCGCGTATGTTGATGTTGATAGGTCAGAGTTGATTC

>trans_s_5266 AY027437|Arachis hypogaea serine/threonine/tyrosine kinase mRNA, complete cds

CTTGAACGATTTCTCTCCTTTTCTTTCTTCGTTTTCGATTGATCTGTTTTAGCTTTTCAATTTGTGATGAAG
ACTTGACAAATCGGAATCCCCACGCTTGACCTCCTGATCGAGATTCTACTGCCTGCTGTGAACCTAGCATCG
GTGATGCTAAAGATATAAAGGGAATCAAAGGGTTCTCGTAAAGTAGAAAAATGTTGGAGGGTGGTCAAAA
ATTCCCTGGAATGATCGATTTAAACGAGCATGCATATGATCTATCGCAAGGGTTTTACCATAAACTTGGTGAG
GGAACCAACATGTCTATTGACAGCTTGCAAGCTTGCAAACGAGCAACGATGGAGGGTCAGTTGCCATGTCTT
TAGATAACAGCAGTGTAGGATCGAATGAGTCTCACACTCGGATC

>trans_s_5267 DQ487101|Populus suaveolens late embryogenesis abundant protein 5 (LEA5)
mRNA, complete cds

GCTGTGGAGGATTTTCTCGAGAAACAAATAACGTTTCAAGAATCTTTTCTCCGCTAGCAGCGTTTTCATATCCA
ATGGCTCGCTCTTTCTCCAACGTTAAGATCCTCTCCGCTGTTGTTTCCGATGGATTCTCCTCCCTTCTCACCAGTC
GTGTGGCGTATTATTATTATTGTCTCAAGGAGTTGCGTCGAGTGCGGTGAAAGGAGCAGGTGTTGCGGCGG
CGAGGAGCAGTAATCTGTTGAAGAAATCGGGAGAAGAGAAGGTTGTTGGATCAACTGAGAAGGTTTCTTGG
GTGCCGGATCCTGTACGGGGTATTACCGACCGGAGAATCGATGCGATGAGATCGATGTTGCCGAACCTCCGA
TCGATTCTTCTTAAGAACAAAACTAAAAATTATTTTTCCGGAAGG

>trans_s_5268 NM_001160984|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G67580)
mRNA, complete cds

GGGGCATTCTGATTTACATGGAGGTTACCGTGAGAACGAGTTCAGGGACCGGGAGACTAATTTTCATGTGTC
GAGGAGGTGCTTTGGGAGTGCTAGGCAAGAGTTTGAAAGAGTTAAGATAAGCAATGGTGATCATGGTGTTT
GGCGGAGTCTAGCGCGGGACGTCAAAGACAAGTTAGGGTTAGCCATGAAGATATGAAAGAGAACGCGGTT
GTGAATGGTCATTATCATTCGTTCTTACCAGGAGCAATTCAAGTAATAGTGATGGCGTTAGTCGTAGTGATT
GTTGCCTGATTGAATTAAGGGTTGGAAGTATCATCGACAGGGAACCGGGTGAGTTATCCAGTGGGAGTGGAT
CTGATGATGCAATTGAATCTGGCTTTGGGGTCAGAGATAGAGAGGTTTCG

>trans_s_5269 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CCCTTCCTCGTCTCTGGGTGCCTAGGTATCCACCGTAAGCCTTTCTTCGTTTGAGGAGAGCCCTTTTCTTTTCC
CTATGCCATCCTAAGGTGCTGCTAAATGGAAGGATCTTATCAACGTCCATGAATGAGAAATCATAGATCGAAC

TGCCGAATCGGAAAAATGGAGTGCTATCATATAGCTTTGTATCGGCTAAGTTCACGAGTTGGAGATAAGCGG
ACTCGAACCGCTGACATCCGCCACAGGGTAAACCACCGCCTCGAAGGCCCCCGACTGATTCTACCATAGAGGC
CAACGATAGACAATAACTCCCCCGAACACAGCTTACAACCTTCATCGTACTGTGCTCTCCAAAGAGCAACTC
TTCTCAAAATCTCAAAAGGTACTGAGTTGGAATCCCATTCTA

>trans_s_5270 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete
sequence

CCCGCACCGAAACAGTGCTTTACCCCTAGATGTCCAGTCAAATCCCGAAGTTAGTTCTATACATATGACCAGCA
ACAAGAAAAATAAATGCAATAGCTAAATGATGATGAGCCATATCAGTCAGCCATAAACTTTGCGTTTGCGGAT
GGAATCCACCGAGAAGGGTTAGAATGGCAGTTCCTGCTCCTTCGGAAGTACCAAATAAATGATTATTCGAATC
GGGGTTTTGAGCATAAAGATTCCACTGACCTGTAAAAAGTGGTCCTAATCCTTGGGGATGTGGCAATACATCT
AAGAAATTATTCCATCGAACAGATTCTCCCTAGATGCAGGAATGGCGACATGGACTAAATGTCCTGTCCAAG
CCAAGGAACTTACTCCGAATAGTCCTGACAAATGATGATTGA

>trans_s_5271 GQ997694|*Nerium oleander* voucher FLAS:W.S. Judd 8076 ribosomal protein S12
(rps12) gene, complete cds; chloroplast

AGGGTTCCTCGAACAATGTGATATCTCACACCGGGTAAATCCTTAACCCCTCCCCCTCTTACTAAGACTACAGA
ATGTTCTTGTAATTATGGCCAATACCAGGTATATAAGCAGTGATTTCAAATCCCGAGGTTAAGCGTACTCTGG
CAACTTTACGTAAGGCAGAGTTTGGTTTTTTGGGGGTGATAGTATACACCCTAGTACATGTTCTCGACGCTGA
GGGCATCCCCGAAGGGCGGGCGATTGGTGACATTTCTGATTGGCTGTCTTGTTTCTAATAAGTTGTTTAAT
AGTTGGCATGTTGAATTGTATACATAAACTCAACCAAATCTAGTTAGGAGGAGAGATTCTTAAGAGAGAGTTG
TCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCTGTG

>trans_s_5272 NM_119140|*Arabidopsis thaliana* PRHA (PATHOGENESIS RELATED HOMEODOMAIN
PROTEIN A); protein binding / sequence-specific DNA binding / transcription activator/ > (PRHA)
mRNA, complete cds

AATGTAATGACACAGAATTATACGAGTTTGTGGAGACTATCCATGTTACATTTCTTATACGATACCATAGATTA
TAATGATCCAATAATTCCTTGTTTGGTCCTGTGTACACATCCTTTCACCAAGATGGTTGTGTATAGTGAGACAAT
TAGACATTTTCATAGGACCTAGAGGGCTTATAGTGATGTGTTCAATTAGTTTTAGGTGTTTGCTAGTTCTCATGT
ACTTTCCCATAGCATCAAACCTCAAGTACGTGTTGTTTGGAACTAACATAGATAAGTTTCTCTGATGCAATTTATT
TTACCTCCATATCCTTTCATTCCAAGTGTATCTCAGGGCAGATTGTACTGATTGCTGTTTGAAGGTTAAATCTG
TCTAGTTCTTATTGAGCACAGTTCTTTTTTTCAA

>trans_s_5273 EF207450|*Myriophyllum spicatum* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAAGGAATAGGAAAGCTGTAAAGGAAGTTCAAGGCTCCCCATAAGTTTGAGTGGTCCGAAGTCCTGTGGAA
AAACAAGAGAGAATCAAAGCCCTCTCCTTTCAGTCGAGCCCTTGTTTCATCGATCATTCTTTGAGCCTCACTTCTT
CCTTCTTCTTCATTCATCTCCCAAAGCGGGCACTAGCGATCGACGTGAAAACACCCGATCCCATCCGACCTCG
ATATGTGAAATCGTCTTGCGCCATATGTACTGAGATTGTTGTTCTCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAAAC
TCTACTGCGGTGACGATACTGTAGGGGAGGTCCTGCGGACAAATAGCTCGACGCCACCTATCTAACCATCTTA
GGAAACGTCTGCTGAATTTATGCGCTGTCCCATATTTG

>trans_s_5274 Z11512|*L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

AGCGGTCCGCCTATGGTGAGCACCGGTCGGCTCGTCCCTTCTGCCGGCGATGCGCTCCCAATGACTGGGCGTA
AAGGGCACGTAGGCGCACGGCTAAACCAGGGACCTGGTGATAACCCCCAGTTGTTCTGCTCTCGAAACCCAT
TCACTTGAGTGAGACAGAGGAGAGTGGAATTCGTGTGTAGGGGTGAAATCCGGAGATCTACGAAGGAAGG
CCAAAAGCGAAGGCAGCTCTCTGGGTCCCTACCGACATCAAACATAGGGACATGGGGAGCGAACGGGATTA
GATACCCTGGTAGTCCATGCCGTAAACGATGAGTGTTCCGCTTGGTCTAGGCGGATCAGGGGCCAGCTAAC
GCGTGAAACACTCCGCCTGGGGAGTAAGGTCGCACTCTTGAC

>trans_s_5275 EU161363|Equisetum diffusum 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGAGGCTGTTACCTTGGAGACCTGATGCGGTTATGAGTACGACCGGGCGTGATCAAGCCTAAAGAAGAGAC
AAAAGTGGAATCAACTCCAAGCCTATCAAGGCAATGAACAAGGGCTCGCATTAGCTATCACCTGGACCTTG
TTTTTGAACAGGTTAATATGGATAGTCAAGAGGAGCGAAAGCGGCTCGACTGTCAGGAGAGGAGCGAAGC
CACTCGACTGAGGTTAGGAAGGTTGAGAGCGAAGGTACTCGTAGTTTCAGATATAGGTTGAGAGCGAAGCCA
CTCGACTGAGGTTAGGAAGGAGAGGAGCGAAGCGAATTCCTTATCAAAGAATTTGAGAAATCCATATTCAA
GCGGGTTAGTGGAATTCATGAGTTGCACTCCTAATAAGGGATA

>trans_s_5276 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

GAGATTGATTGCTTACGATTGTGAAGAAGGCTTCAGATCCGATTTGTTCTGGTGGTCTTGGCTTGCAGCTTCC
TCTTATTGTGAGATTTCCCGATGTGCTCAAGAATCGTCTTGAGTCTCTTCAGTCGGCATTGACTATGCTATTCA
ATCTCAAGAGCATGGTTCTATTACCAGGGTGTATCCCGTCAAATGTAACCAGGACAGGTTTGTGTTGAG
GATATTGTGAAATTCGGATCTCCTTTCCGTTTTGGGCTTGAAGCTGGGTCGAAACCGGAGCTTCTCTGGCAAT
GAGCTGTTTGTGTAAAGGGAATTCAGATGCCTTTTTGGTGTGTAATGGTTTCAAGGATGCGGAGTACATTCT
TTGGCGCTTATAGAGCGCCGCGACGCTAGTAGAGC

>trans_s_5277 NM_119590|Arabidopsis thaliana FUC95A; 1,2-alpha-L-fucosidase (FUC95A) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGGAGACTGAAATTGTGGGAACATTCCATTTCTATGAATAAAAATTTATATCAT
TAATTGTCAGTGAAGATCAATCATATGCTACATAACGAGGCTTGGAAACAATGTACATTGTTAGGTTCCAAC
CTAAACACAGCTTCCACAGTCGTAAGGTAAAGATCAATGGAGTCCGAATGGCAAAAGTTTTCACTTCCAAGA
ACACCTGCAAAAAGAAAAAGAAAAACAGAGAACAAAAACAGAAAGAGAAGCCTCAGATTATCGGATTTGACA
GCAAGGCTTGAAGCCATTGAGTCCCGAAAGATGGTATTTTGTAAACCGATATCATCATCAGCATGAAGACG
AGCCCATAGAGCAATTTCCATGCAGTTGACCATCCT

>trans_s_5278 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

CATTTTAGATCCGATCGAAATAGGATTTGGTTTGTATATTGCCCCGAGCCCATATGTCTAATATATGTAATTTT
TCATCTTCCTGGATTGGAAAAGGTGACACACAGCCGATCGGTTGATCTATTTCTTTATCTCCCCATGAATC
GTATGTTTGTAAACACCGGGGACAGAATTTCTCAATTCCAATCGACTAGGCGTATTGTGTCGATTCTTTGAGT
AATATATCTGGAAATCCCTATTGATTCTTATTAACACCGTTTGAACACAACGAGTACATTCCAAAATAACAG
TACTCGGGCATCTTACCCTTGCCATGAACCTCCCTGGATTTTGATTACGCAACTCTTCATTTTCTAAAC
CAAACCAGGAGGATCCCTTCCCCTCAACC

>trans_s_5279 M36377|Melon 17S rRNA, 5.8S rRNA, and 25S rRNA gene region

CGTCTGGGGTGGCATGTACTATAGATCATCTATAGCTCCTGAGCTTATTAAGCCATCCGCACGACGGTGCGTA
CGGGAGGCCAGTGTGTGTCCTGCCTTCACAACGACCCCGCATGGGGAGAGTTGTGTGGTGGGGGCAGCGA

TGCGTGACGCCCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGGCGCAACTTGCGTTCAAAGACTCGGTGG
TTCGCGGGATCCTGCAATTCACACCAACCCAGGTTGATACGAGTGCGCCATTGGTAGGCCCGTGACTTACTTTT
GCCGACCGCTCGGGCATCGACCCGGAAGAATCAATTCCAAGCTTGTTGATAATCCATGATCAACTTCCTTCG
TAGTACCCCGTTTTTTGAAAAGGACTAGGCTTTTATCA

>trans_s_5280 X98304|S.demissum mRNA for protein induced upon tuberization

CTCTAGAGGGTGTTATTTACAAGTGAGAATCTTTTCTCCGCTAGCAGCGTTTTTCATATCCAATGGCTCGCTCTTT
CTCCAACGTAAAGATCCTCTCCGCTGTTGTTTCCGATGGATTCTCCTCCCTTCTCACCAGTCGTGTGGCGTATTA
TTATTATTTGGAGACAGGAGTTGCGTCGAGTGCGGTGAAAGGAGCAGGTGTTGCGGCGGCGAGGAGCAGTA
ATCTGTTGAAGAAATCGGGAGAAGAGAAGGTTGTTGGATCAACTGAGAAGGTTTCTTGGGTGCCGGATCCTG
TCACGGGGTATTACCGACATTCTGGCTAGCACAAGGAGATCGATGTTGCCGAAGTCCGATCGATTCTTCTTAA
GAACAAAACTAAAAATTATTTTCCGGAAGGAAAA

>trans_s_5281 XM_002864587|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxysterol-binding family protein,
mRNA

ACAGAGTTTTGTGCCAAGATGGTTTGATTTAACCGAAGAGGTTACGTCCACACCATGGGGTGACTTGGAATC
TACCAATATAATGGTAAATACACCAAGCACCGATCTGAGATTGATAGTTCTGGTTCAAGCAGCAACGACGATG
TTGACGTAAATCGATAGAATTTAACCCCTGGCAATACGGGAAGTGTGCGTCAGATTAAGGCTCTTCTCATCTA
TGTGTTGTTTGGTTGGTTCTCCAGATAGTTGGTAACATTTTTCAGCATTGATATCGTAGTGGTCTGTTGTTTG
TTTATATACATAGAGCTTTTACATTTTGTAACTTTGTTATCAATCTTTGCCAGTTTGATCAATCCTACAACTTTCT
ACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5282 DQ296038|Arachis hypogaea chloroplast photosystem II 10 kDa protein mRNA,
partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GTCTGACAGCAGTTCTGTCTGAGAAAACCCAGCTCCCTTCACCGTCGAGAAAACCGCGAGAGGTCTTCCAT
CTCTGGCGACGGAAGGGCACCACCACAAGGTCGTCGCCAGTGGTGGAAGAAGATCAAGACCGACAAACCA
TACGGAATCAATGGTTCGATGAATTTGAGGGATGGAGTTGATGCATCGGGAAGGAAGCCCAAGGGAAAGGG
AGTGTACCACGGGTGATCACCTGCATTCTCCAATGTGATGTTACAGTCCCATCTACGATACCAAGACTGGT
CTCCAAGTGGTGATGTCTATGTTGGTGGTACTACTGGGTTAGCCATTTGGGCAGTGACTTTGGCTGGTCTTCTT
GCTGGAGGTGCTCTCTCCACACGTGGTGTGACAGAAAC

>trans_s_5283 Novel Gene

AATTCTAAATATAAAGAGGCTTTTGAGGCTTTGGATTGTGGTGATTCTCACCATGGCCATGGATATGGATGGT
TAAGAAGGAGAACTTTGTAGAGCTCGGCGGGATGTCGTGGAGGCTGATAGTGTTGGAAGAGAAGATTAAT
AGTGTTGGATGAGCAATAGTGAGAGGATGTGTTGTAGGTGTGTAATTCCTAAACTTTAGTTCGGTGCCTTAA
GTAGTATACTTGTTCAATTATTAGGGTTTATAATGATTCATTACTACTAACTATTATGGGATCAAGAGGCCT
TGCAAAGGTAATTTGTTTAACTCTATTCTTCAACCTTCTCTCTTCTAGATGGCTCATTAGAAATATTGTTTT
TCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5284 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

GGCGTGGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCACAACTCCCTCTAGACCTCTAGTAGTGGTCCTGGAGTCCAT
ATCATTGATACTACTAGGAATTGAATCATTATGGCAAGGAAAAGTTTAATTCAGAGGGAGAAGAAGAGGCAA

AAATTGGAACAAAAATTAGTAACTAAGCAGGATCCTTAAACAAGAAATAAGCAAAGTCCATCGTTGAGTG
AGAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCTACCGCGTAATAGTGCACCCACACGTCTTCATCGACGTTG
TTTTTTAACCGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGGCTCTCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTC
ATGCACGTACACATGTTGCACCATGTCAGTATACGAA

>trans_s_5285 AB248117|Zostera marina ZmVHA-B1 mRNA for vacuolar H⁺-ATPase subunit B,
complete cds

GGAGATTGTTAATATTCGTCTAGGAGATGGAACAACCAGGCGTGGTCAAGTCCTGGAAGTGGATGGGGAGA
AAGCTGTTGTTCAAGTATTTGAAGGAACATCTGGAATTGATAACAAATATACAACCGTGCAATTTACCGGAGA
GGTTTTGAAAACCTCAGTCTCCTTGGACATGCTTGGGCGAATTTTTAATGGTTCTGGAAAACCCATTGATAATG
GTCCTCCTATCTTGCCTGAGGCATACTTGGATATTTCTGGGAGTTCTATAAACCCCTAGTGAGAGAACTTATCCT
GAAGAAATGATACAGACTGGAATTTCAACAATTGATGTCATGAATTCATTGCTAGAGGGCAAAAGATCCCAC
TTTTCTCAGCTGCAGGTCTTCCTCAC

>trans_s_5286 FJ595244|Dimocarpus longan triosphosphate isomerase-like protein type I mRNA,
complete cds

AAACTGCAAAGAACTGGCAGCACAACTGACTTGGATGGATTTTTCTGTCGGAGGAGCGTCGCTTAAGCCCGA
GTTTGTTGACATTATTAAGTCTGCTACGGTGAAGAAATCTTCATGAATGGCCTGAGGACGAGATGGTTTAATC
TTCCTTTAGGTACGCGGGATATGTTGCGGAACTGTTGTTTGCTTGAGGAATAAAGTTGAGACCCAATGCTT
GTATAATCATGATTTTGTATTCTCTCCTTTTGATGCATTTTGACATAAATTTGGCACTGTTGAGGCAATACAAT
GTTTATGATTGGATTGAGGTCATCTCAATTCTGATACAGACAAAATGTTGTGAGTTCTAATTATAGTATGGTTC
AGATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5287 AB238681|Arabidopsis thaliana CMS1 mRNA for CGS1 mRNA stability 1, complete
cds

ACCTGTGCTAATTATGATGCGAGATGTTGCAGAACTAGCAAATGTTGACCGTGCTGCTCTCTGGCACCAGTTAT
GTGCTACTGAAGAGGAAAGCATCCGTATCCGTGAAGAAAGCAAAGTAGAAATTGCGAATATGATGAAAGAA
AAAACCTGCTCTATCTCAAAAGTTGAGTGAATCTGATGCTATGAATATTCGCCTTAAGAATGAGATGAAGGCTG
AGTTGGAGCGATTTTCTCGCGAGAAAAAGGAACTTTCTGAACAAATACATGACATTGAGAGTCAGCTTGAGTG
GCTCCGCTCTGAGCGAGATGATGAGATTGTGAAGTTAACAGCAGAGAAGAAAGTCCTCCATGATCGTCTCCAT
GATGCTGAGACTCAAATAGCACAACCTG

>trans_s_5288 GQ997156|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 cytochrome b6 protein
(petB) gene, complete cds; chloroplast

AGTCATAGCAAACCCGTAGCTACTTGTACTAAAAACAAGTAAGCGTAATTCCTCCTAGACAATAAAATATGT
TGACATGAGGAGGAACGTATTTACTAGTTATATCATCTGCAATCGCCTGAATTTCAAGACGTTCTTCGAACCAA
TCATACACTTTACTGAGATAGGTAAACCAAGGGGACCCTTTCTCAGAGGTTACGCGCAGAGGCCCTACTCTAC
GTAATCTGGGTGAGGGTGTGGGCGTTATCTACGGAACCGGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCC
CTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGCTACGACTCTTCAATCTCGATCCGAAGCCCGAAGGTCTC
TTTTCGTTTTACGTTTTTTCT

>trans_s_5289 NM_001112199|Zea mays crs2 associated factor2 (caf2), mRNA gb|AY264369.1|
Zea mays CRS2-associated factor 2 (CAF2) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AGGAGTTTGAGAGAATTTACAAGCAACTGAACATTCTTATCCAGCATTTATCACATCAAGTGAAGAAGTCAG
CAGTCCAGCTGACAGCCCCGAAAGTCAGGATCACTCTGAAGCCAACTACAACCTCCGATGATGATGTAGGTCGT
GAAGAAGACCTTTTTGATAATGTTGACCCGTTAGTCCCTTAGGATCATTACCTGTTGATATTATAGCAAAGAA
GCTCAGTTCTGAATAGATATGCATGGTCGCTTTGATTGGTATTTGAAATATTCTTGTGTGACAAGTTGAGGAG
GGAAAAGTTGAATATTTTGTGTATCTATTTGTAAATAAATTAATCAAACATTGAAACCGAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5290 NM_112219|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT3G13690) mRNA,
complete cds

AAGGCGACCTCGTCATGGATGCTAATTACTTGTCCACTCCCGGATACGATGTGGGAAACCGGAGTGGTCGGA
TGTGGACTGAGCAACAGCAGCAGGCACAAAACCTACAGTGGCTTGTTATCGGACGAGACTGTAGAAAGGTTCA
ATGAAAAGGTGTGTGTTGAAAGTTTAAGACCAGGTTACTGGGAAAGAGACAAGACAAGGAGGACTTCAAGT
GGAAAGTGCATTGTAAAGTGGCTCAGCATTCTTAAGATATACATTGCACCCTTTAGTCTGCTGAATTTGTACTTC
CCCAATTAATTTTTTTGGGTAATTATTTTTCTCATTATAAACTTTGGTTTGTGTATAGTAGTAGTATTAGTAA
GTGAAAAATATGNGTGGGGGTTT

>trans_s_5291 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AGTGTGGGGAATTATAAATATTAGGAATTGATTATACATTTTTTTCTCTGGTCAGATCAATAAGGTCATGAAAA
ACATTTAGATTTATTTATCTCTTTTTACTACATATAATGGATTTGCCTGGACCGATACATGATTTTCTTGATGTC
TTGTTGGGATTAGGTCTTATATTAGGAAGTATGGGAGTACTATTATTTAACAACCTCCATTTATTCTGCTTTTTCG
TTGGGACTGGTCTTGTTTCTATATCCTTATTCTATATTCTAGCAAACGCCAGTTTGTAGCTGCTGCGCAACTC
CTTATTTACGTGGGAGCTATAAATGTTTAAATCATATTTGCTGTGATGTTTCATGAAGGGTTCAGAATATTCCAA
TCCATCCCGAACTT

>trans_s_5292 EU016740|Anethum graveolens clp protease proteolytic subunit (clpP) gene, partial
cds; chloroplast

CGCAACTTATTGGTCTTATGGTATATCTCAGTATGGAGAATGATACCAAAGATCTGTATTTATTTATAAACTCTC
CCGGTGGAGGGGTAATTTTCGCTAATCCATAAATACTATGATACGTATTTGTGCAACCACATGTACAGACAGT
ATGCATGGGATTAGCCGCTTCAATGGGATCTTTTATTCTAGTCGGAGGAGAAATTACCAAACGTCTAGCATTCC
CGCACGCTAGGGTAATGATCCATCAACCTGCTAGTTCTTTTTATGAGGCACAAACGGGAGAATTTATCCTGGA
AGCGAAAGAACTACTGAGGCTGCGCGAAATCCTCACAAGGGTTTATGTACAAAGAACAGGCAAACCTTATG
GGTATATCCGAAGACATGGA

>trans_s_5293 GQ998726|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase
CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

CTCAGCTCTCGATAAAGCTACTCAGAATCAATTGGCAAGAGGTCAACGATTACGTGAGTTGCTCAAACAATCC
CAATCAGCACCTCTCACGGTAGACGAACAGATAATGACTGTTTATACCGGACAGCCGTTGGCGAGGTCCGGAC
GGCTCCCGGTTACAGTAAGGAAATTTCTTGTTGAGTTACGTACTTACGTAAAAACGAATAAACCTCAGTTTCA
AGAAATAATCTCTTCTACGAAGACATTGACCAATGAAGCGGAAGCCCTTTTGAAGAAGCTATTCAGGAACAG
ATGGAACGTTTTCTACTTCAAGACCAAGTATAAAAGAAAACAAGTAAAGTATAAATAAATTTTAGAACTTTCAA
ATGTTTTTTAACTTTGCTGTC

>trans_s_5294 XM_002887492|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata galactosyl transferase
GMA12/MNN10 family protein, mRNA

CTGGGCTGGCTTAGTCGATAAGTATGAGGAAATGATTGAGAAGTATCACCTGGATTGGGCGACGAAAGGTG
GCCATTCGTGACTCATTTTGTGGTTGCAAACCTTGTGGTAGCTATGGAGACTATCCAGTAGAAAGGTGTTTG
AGTAGCATGGAGAGGGCTTTCAATTTTGCTGACAACCAAGTTCTCAAACCTGTATGGATTCGCCATAGGGGCC
TTTTGAGCCCCAAAATCAAGCGAATCAGGAATGAGACAGCCACTCCATTGGAGTCAGTTGATCAAAACGATAT
TCGGCGGCATGTTCTGCATCAAAGCAATGGACCTCCTACCAAGTGAGCAAATCACAACCTTGTGTGATTATTT
GTAGGTGTTGTTGTATACGT

>trans_s_5295 FJ858257|Vitis vinifera cultivar Sauvignon Blanc lipoxygenase (LOXO) mRNA,
complete cds

TACCTTCCATTTATTGATCGGATCAACGCTCTCGACGGCAGGAAAACATATGCAACTCGCACAATATTCTTCTT
GACACCACTTGGAACCTCTCAAACCTATCGCCATAGAGCTCAGCCTTCCATCAACTGCACCAAGTTCTCGATCAA
AGCGTGTCTGTAACCTCCACAGTCGACGCCACAAGCAACTGGACATGGCAGCTCGCCAAGGCTCACGTCTGCTC
CAACGACGCCGGAGTTCATCAACTTGTTAATCACTGGTTGAGAACGCATGCAACCTTAGAGCCATTGATATTG
GCAGCACACAGGCAACTAAGCGCAATGCACCAATCTTCAAGCTCTTAGACCCACACATGCGATACACAATGG
AGATCAACGGTTTTCACTA

>trans_s_5296 AF009004|Pelargonium x hortorum glycine-rich RNA binding protein 2 (GRP2)
precursor mRNA, complete cds

ACTCTCTTCTTCTTAGGGTTCCTCTTTTCTTCTCATTTCATGGCTTCCTCTCTGTTGAGTACCGTTGCTTTGTG
GGTGGCCTTGCTTGGGCCACTGATAGTAATGCCTTAGAGAAGGCTTTCTCTCCATTTGGTGATATCGTTGAAG
CCAAGGTCCGTTTGACGTCGAGATCTGGATTTGTTCCGAATCGGCTTTCTACATCCTTAATCTGATCTCTCAATC
TGTGACTGTTTTGTGTTACTTTACTACTACTACTACTCTTGATATCTGTTACTTTTATTACTCTCCTTTAATCG
ATCGTTAGCGATCGTGAAACCGGAAGGTCGAGAGGATTTGGATTCGTGACGTTTTCCGAGGAGGATGCCATG
AGAAGTGCTAT

>trans_s_5297 AF134732|Prunus armeniaca 60S ribosomal protein L1 mRNA, complete cds

CTTCTCAGAAGACTTCTCAAACGACCCATAAATGGAATCAAGCTTCTCAAAGCAGTTTTGGTCCAGATAACAA
ATCTTCCAAGATGACCTCCAGGAGCCAACCTCAAAGATTCAACCTCTCAACATTACAATATCGATACCCGGA
ATGTTACGGAAGGCCTTGACAAGCTTGGCACCTTCAGTACCATAAAACAATCAACGGACCTTTTCGTGGAATGT
AACGACGGTTCCTCATCTTACCCTTTCCAGTACGAATGGCATGACTGTCCTTCGCTTCTCAGCATCAGGAAAA
GCACCGACCTGCTTCAACACCTTAATGGCGGAAGAGGTCTTTTCGATACCCTCAGCGGAGTCGCTAATCACA
GCGGCAATCCGGAACA

>trans_s_5298 CP000599|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 19, complete sequence

TATCCTCGTTCCTTGAGCGGATAGAGATGAAAGTCAGAAAAGAAATTCAGAAGAATGAACTACCACTACCCG
GGGAAAGCAGGGAGACAAGACTGCTCCGCTACTTTCATCCTATATATCCCACTTAGCGGTCGGACCTCTTTTT
TCGGAAAAGATTCCACTAAAAGGCCTCCGTAGTCCGCTCCCTCCTTTACCTTCTTTCAAGGTTGAATATTCAAG
GTTTGAAGTTAGAAGTTTCCGATAAGTTTCATAAGGACTCCCCATTTTTCTTACCGGAGCCTTCTCACTCAAA
TTCTTTGAGCCTCCAGACCTACTAGAGAAAGCCCCACTCCGCGGAAGAATCCATACCGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5299 AY206035|Lactuca serriola genotype A9 RGC2 resistance protein 5A gene, partial
cds

AATTCATTTTATTCATCGTTTTCTTTAGGGCCTTCTTCCACGGCGAAAGCTTCGTGTTCTGATCTCTTTCTC
GTGGCTTCTTCTTCTCATGTACTGTGTTTCTTTGTTTTAGTTTGTGCTGATTATGAACCATATGACGAATCTGG
ATTCAAATTCTCACGACGGTCGTCTGAGACGCATTACGTGTCGCAACTGATGCAATGATCCATTTTTCTGATG
GTCTACGACGATGTCTTCTGTTTTGGAATTTTTCTTCTTACAAACGAATTACAATTCGATTTTCTTACGGTT
TGTGATTGTTGCAAGCATAGTGATGATGATTTAAACATGTCCGATCAATTTATGACTGGAATATCAACCTCCTA
CTCATAAA

>trans_s_5300 AF394543 | *Oryza sativa* alpha-expansin OsEXPA1 (EXPA1) gene, complete cds

TCGGAGCTCGGACTCCTACTTCTCCTTTGACATGTGAGATATGATAGTGATATCAATACTTATACTCTTCGACT
CCAAACTTTGGATGAGTTGACGAGCGAATATCCTTGTATCGTTTAGGGTTGTTTAATAATAATGTCTTTAGCTT
TTTGTGAGAAACGTCGAAAGACTTTAGTGAGCGAGTTACATAGGTGTGCTTTGGTCATGTCTTGGATACGTA
GATTTGTGATATGTGTGAACTATCGTCCCGTGGCCCACTGAGAATTATAGGAAAGGATTTTGTGTGTGGT
CATCATGTGTTCTTTTGTGTATTATAAGTTTATGGTTTGTAGTTTATCACTTGTAGTAATATCTCTCAACCAGAT
CCTATCTCTGCC

>trans_s_5301 D38019 | *Beta vulgaris* subsp. *vulgaris* chloroplast genes for Pro-tRNA, Trp-tRNA,
cytochrome b6/f complex subunit 5, PSII cytochrome b559 subunit, PSII L protein and PSII
component

CCGAACCTAATTCCTATTACTTTGGCTGGATTATTTGTGACCGCATATTTACAATACAGACGGGGGGATCAGT
TGGACCTTTGATTAATTAACAGTTCTTTTTTTTTGATTGACCCCTACTTGCTTTATAGGAGGTAAATTTTGATT
TCTGTTGAATTATTTCAGTATCATTTTGATTTAACAACAACAAGAATCGAATCACGCTCTATAGGATTTGAACCT
ACGACATCGGGTTTTGGAGACCCGCGTTCTACCGAACTGAACTAAGAGCGTTTTATTATCAAACCTAAAAGCAA
CCCGAATATATCTTCGATACATATATTATCATAGAGAATATCATAAAATTAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5302 XM_002866921 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* RNA recognition motif-containing
protein, mRNA

AAGACCATCTAGAGCGGACTGGAGGTATCGGCCATACTAGAGAGAGCCACCACACCTTCATTCTTATAAATAA
ATCAACAGAAATGAATTCCTCGGCCCTATTTATGAGCAACATATTCTGAGTTTTGGCCTTTGTAGAGTAATCTTT
GGATGTATGTTTATTGCATTCTTTCCTAACTGAAACATAACGTGTGCGATTCTAGGTCAGGGTTTGGAGGGTA
GGTTGGCTGTTTGTACCTTGGTTAGAAGTTATTAGTTAGTTGATTCTTCTCTAACTCTTGCTTCAAGAAAACT
CATTTTACGAATTTTTCTTTTGAATGGTTTGGTTTTCCACGGGCAATTAATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5303 Novel Gene

ACGGTCTTCCGCAGGCTTAGGCTCTTTGTTGAAAAAGGGCTCGCGTAAAAGCGATCAGAATTCGAACACGCCG
CGTTTGACTGGGAAGGATCGAACCATGGGAACGAATCTACAGGGCTATCACCTTCTTTGGCCAGATCTTCCAA
CCTTTTCACAACTCAAATCTTTGACCCTTGACCTCGTATGAAAGGTCAAGCGGCTTGCTGGTTTTTCCATCATC
CAATCCACAACAAATCGAATGAAACCTGGCGAAAAAGAAAAAGAAAGTTCACACCTGTGTCCTGCTGAGGAAC
TCGCTCGACCCACGGAGCGGTTCTGAAGAAGATCGACTTCAGTCAATGAACAAAGCCTCGTCTTGACCCCTTC
GGAGCAACCGATAGATT

>trans_s_5304 NM_001186728 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0773150 (Os03g0773150)
mRNA, complete cds

TACGTCAAAATAATCTCAAGAAGCTCAATTAAGAACTTTAAATGTTTCAGAACAAAAGTGTCAAAAACGTCTTC
TAACAATCACTTCATATTCCATACGGAGTAAACAAAAGCAAAACATGGGAAACGTTCTTCAATATAAATTCAAC
CCATTCTCTCTTAGGGATAATTAGCTTCTTAGCGGTACTTGATGAAACCAATTTCTTGGCATTGCTGCGGA
AGCATTGTCTGCAACACATAAGTCCATACTTCCTGATCAACCCATGGGGATTTCCGCACACACGACAAGTGCG
AGAACCAGGGCCATAGTTCTTAGGATGAGAGTTCCAAACGTTGGAGTGCCCCATGATTGTGAGGGTATTGAG
ATGCTTCGAAATGAC

>trans_s_5305 AB032245|Cucumis sativus psbP mRNA for 23kDa polypeptide of the oxygen-
evolving complex of photosystem II, complete cds

AAGAGAGCATTCGTTCACTGGTATGTCGGTGAGGGCATGGAAGAAGGGGAGTTCTCAGAGGCTCGTGAAGA
TCTGGCTGCCCTCGAGAAAGACTATGAAGAAGTTGGTGCTGAAGGTGCGGATGATGACGACGAACCTGAAG
ATTACTAAGTGTGCATGGTGCTTTTATCCCCATAATTTCTTGTCTAGTTAAAGAGCCTGTCGTTTTCTTTATATA
CGCAATTCTGCTGTCTTGTAGTAAATTTGATTCTGTATCTTTGTGGCTCTATGTATGAAATCAGGAATATTAC
GCCAATGTTTAGACTGTAATTCTGTATTGTCTTGGATTGTGGATGGATCAATGTTATAATAGATAATTTGTAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5306 NM_001187017|Oryza sativa Japonica Group Os04g0431700 (Os04g0431700)
mRNA, complete cds

GGGGTTCCAAACAGTACCAAACCATCCAAACCCCAAAACCCCTTCGAGGATGGAAAGGGAGCGAACGGCGACA
ACGTATGTTAGGGTTCGGGCTCGGAAAAGAGAAAGAGAATTGCCATGCAAATGCTCTTGAAGCGGCGATT
CACATGTGGATTGCCTAAACCTGAGGGAAACCTGATGGTATATTACAACAGTAATTATATAGTTTTCAATCTGA
ATCTTATACAATTGCTGCTCGCATTTTAGCTCCTCCCTCTCTTCTCCGTGCCATCTCTTCTCCGTTGCTTCCTC
ATTCGCTCCCTCCGAAGTCTCGTGATGACGCTTTTCTGAAGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_5307 NM_001054914|Oryza sativa Japonica Group Os02g0794700 (Os02g0794700)
mRNA, partial cds

ACAGCGGTTGGCATAGTCAGACACGTCTCCGTCTTCCACTCTTCAACCTCAAATGGCTTAAGAAGCATTCTTC
TGAACCCACTCGACTAATGCGGCAACACCGAACCTGTTGCAGTGCGTTTCTTGCTACTGAAGACAGGGCCAG
CTACGTCAATGTGCATCCATTGAACTTTCTCATCAACAACTGTTTCAAAAACAGAGCAGCTGTAATGGCACCA
CCTGGACGACCACAGTGTTGACCATATCAGCCACACTTGACTTCATTGACTCCCAATAACTATCCTCCATTGG
CATCCTCCAAATTTCTCGCCACTGATTTCTGCAGCAGCCAATACCTCTTTTGCAGGGTCATCACTGGGAGTAA
AGAT

>trans_s_5308 AF206972|Nuphar variegata 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

GTTCCGGGGGGAGTATACTATGGAGGCTGAACTTAAAGGAATTGACGGAAGGGCACCACCAGGAGTGGAG
CCTGCGGCTTAATTTGACCCAACACGGGGAACTTACCAGGTCCAGACATAGTAAGGATTGACAGACTGAGA
GCTCTTTCTTGAGAGATAAACATTAAGTGATTTATTAGATAATCGAAAACAGAGGATCTTGAAAACAATTCAA
ATTCAGAAGAACTACGTGAGGGGGCCATTGAACAGCTGGAAAAAGGGGCCCCGAGCCTTACGAAAAGTTGAA
ATGGAAGCCGATCAGTTTCGAGTGAATGGATATTCTGAGATAGAACGAGAAAAGCCAGATTTGATTAAGGTG
GGCCTTACAGGGT

>trans_s_5309 NM_001072974|Oryza sativa Japonica Group Os12g0230100 (Os12g0230100)
mRNA, complete cds

TTGACTTGTTGATGAAGCAGGTTCTCGAGTTCGCCTTCGTCATGCTCAACTACCCGAGGAAGCACGGGAGCT
TGAGAAAGAGCTGAGGCAGATCACAAAGGAGAAGAATGAAGCAGTTCGCAGTCAAGACTTTGAGAAGGCTG
GGGAATTGCGTGATAGAGAAATGGAACCTAAGACTAAGATCTCTGCTCTAGTAGATAAGGGCAAGGAGATGA
GCAAGGCTGAAAGCGAGGCAGGAGATGTAGGCCCTGTTGTGACTGAAGTTGATATTGAGCATATTGTTTCCTC
CTGGACTGGCATTCTGTTGAGAAAGTATCTACCGACGAATCTGATCGCCTCCTCAGGGCAAGGAGAGTTTCT
TGCTCTCTCC

>trans_s_5310 AY042829|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T3M22.5) mRNA, complete cds

ATTCGCGCGAAAGACAGGAAGAAGCTGTAGCAGTGGACGAGAAGCAGCAATGGCCGCTGTACAGTGCACA
AGCTTCTGCAAAACCATTTAGCACCACAAGAGCTTTCTCCCTTCTTCATTTACCCTTTCAATTTCCCGTACGAGTT
ATCCCACTTTGAAAGCTTCCAGTTCATTGCTGAACCTCTCGATCTCCAGGTCGAATAGGGTTGTTCCGGCTGTG
ATTGCAGAAGAGAGTGCTGATGGGGCGACTGTTTCTGCCACTGATGCGTTCAATCTAACTTATCTGGAGGGAA
ATAGTTGGTTGTGGGAAGTGGGCGGATTAAGCATTTTGGTAGATCCTATTTTGGTTGGTAGTCTTGATTTTGG
TATCT

>trans_s_5311 DQ069619|Acorus americanus photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial
cds; chloroplast

TAAGCGGAGTGTTGGCCCTAAAGCTAAGACGGCAGCCGGTGAAAGTGACTAAAAATTAAGAATTCATGTGC
TTGGGAGTCCCTGATGATTAATGACTACACAAACCGTTGACGATAGTTCTAGATCTGGGCCAAGACGAACTGT
TGTAGGGGATTTATTGAAACCATTTGAATTCGGAATATGGTAAAGTGGCTCCTGGGTGGGGAAGTACACCTTTA
ATGGGTGTCGCGATGGGTTTATTTGCGATATTCCTATGTATTATTTGGAGATTTATAATTCTTCCATTTTACTG
GACGGAATTTCAAGCAATTAGATTGATTCAACAAGAACCCCTAAATAACTTTTCTTTTTTTTTTCCCCCTTAAAG
GGG

>trans_s_5312 NM_001072507|Oryza sativa Japonica Group Os12g0112600 (Os12g0112600)
mRNA, complete cds

TCTAACATCTCAAATTCCTTGATCCTCACGCTTTTTGATTGAAAAAAGATGAAAAGACAACCAGGAGGCAAGG
AAGAAGAAGAAAATCAAGCCTAAAGAAGAGACAAAAGTGAATCAACTCCAAGCCTATCAAGGCAATGAAC
AAGGGCTCGCATTAAAGCTATCACCTGGACCTTTGTTTTTGAACAGGTAAATATGGATAGTCAAGAGGAGCGA
AAGCGGCTCGACTGTCAGGAGAGGAGCGAAGCCACTCGACTGAGGTTAGGAAGGAGAGGAGCGAAGCTAA
TTCCTTATCAAAGAATTTGAGAAATCCATATTCAAAGCGGGTATGGAATTCATGAGTTGCACTCCTAATAA
GGGATTATA

>trans_s_5313 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

ACCTCACAGAACAAGCATCTACGAGCACGAGTTTTTGTGCGGTAAAAAAGAAATCAAATGTATTCAAGGGGGC
TTTTAGAGAACGTATCAATAAGCTAGACCCATGCTTCGAGTTGTTTCATGCCATAAATAAACGCGAACACTCAA
AAAATCTGTCGGACAGGCAGATTACATCTCTTACAACCAACACAGTCTTCCGTTCTGTTGGAGCCGAAGCTATTT
GCTTAGCTTTACATCCGCCCAAGGTATCATTTCTAATACATCTGTGGGGCAAGCTCGGACACATTGAGTACAC
CCTATACATGTATCATAAATCTTTACTGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTTTCGG

>trans_s_5314 XM_002879965|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribose-phosphate
pyrophosphokinase 4, mRNA

TAGTGCATATGTTACTCATGGCGTTTTCCCAAAGCAATCTTGGAAGCGGTTCTTCACAAAAATGGCTTGGAGA
TGGCATTTTCATACTTCTGGATCACTGATTCTGCCCTCATACAGTCAAAGCCATAGCAGATAAAGCTCCTTTTG
AAGTTTTGAGTCTTGCGGGTTCATTGCTGATGCTTTGGTGATTGAACCGATAGGTTGTTGATGAGACTTCAA
TTATGCGAATATGATTACATATCCTTCACAATAATGCATAGGTGGGACAAACCGTTCCGATTCTGATATATGAG
TGAATGCTGGATGACATCCTTTTTGATGAAATTGATGGTTAATAGTATTGTTTTGTCATCTTTCTTTTTCT

>trans_s_5315 FJ418174|Camellia sinensis lipoxygenase (lox2) mRNA, complete cds

AAGAGAATCTTCTTCACTAAGTCATATTTGCCATCCAACACTCCTGAGGGCCTAAAAAGACTTAGAGAAG
AAGAGCTCAAAGCTTTGCAAGGGGATGGCGTTGGCCAGCGTGAGGTCCACGAAAGGATATGACTATGATG
TCTACAATGATCTAGGCGATCCCGATAAAAATCTCGAACTCAAAGACCTGTACTTGGTGGAACAATTTCTT
TATCCTCGTCGATGTAGAACCGGACGCCACGTTCTAAAAAAGATCCTTTATCTGAATCAAGAAGTTCAGACA
ATTATGTGCCACGAGATGAAGCATTCTACCCGTGAATGTTGTTGAAAATCACACTCTGTGGACTTCTCGTGT
GAG

>trans_s_5316 FJ467933|Carica papaya transgenic cultivar Rainbow beta-glucuronidase (uidA), coat
protein, and neophosphotransferase genes, complete cds

TCTCTGATTCAGGTGTCTTGTAACAAAAGCCTACATAGCAGTTCCAATGCTACGCCTTCAACCACTCGGCCAT
CTCTCCTACAGAATGATTATGGCCAGAAACCGAGTTAATAGTGAGTCATTAATATTCAATTTTTTTTTATATA
TGTGCAACCAATTCTAACTATACAAATAATTTTTTTTAACTATGTTTAATGGATACTTTTAGCTCATGATTCTCG
GGCTAAAAATAAACTATGATTCCTTTTTCTAAAAATTCGACTTTTACAGTTTTCGATTTTCACCAACAAGTGT
TATCCCATACATATATCTAGTCACAAGTTATGAATCATAGAATGATTATTCGCGGAGGGGGTAGAGAA

>trans_s_5317 BT024536|Arabidopsis thaliana At4g30390 mRNA, complete cds

ACTATCCATTCTGCCATCCTTAATCTCTCTTCTATCTCTGATCTCTTTTTCTCCCTGATCACATCGTCTCCATCT
ATTCTGCAGGAACTTTAAGGGCTGGAAAATTAAACGAGAGGGTTTTAAAGTTGTTTGTGGCAAGTGGAAA
AGATGAAGTTCTTCGCTCATTGGGGCATTCAATATCCAGCAAATTGTCACCCCTGTTCTTCTACCAGGTGTTT
AGAAAAGTTCTAGGATTCAGTGATATGGTGTGATTGCATTTTAGAGCATTAACTTTAGCTGCTTCTTTAAGG
AGATTTGCCAATCTTTTTATTTTCTAAAATATATCACAAATCATTGTTTTATTTTCTACAAACGTTTG

>trans_s_5318 DQ673259|Jasminum subhumile psaA-psbB fragment, chloroplast

ATAACGTTAAAAGTAGTAAAAAAGAAATAGTGGTCGGGAAGGTTATAGTAGCAAAGCCATTGGAATTTTAA
TTTTATACATTGGAAAAATACGTTTTGTTATTAATAGACTAGGAAAGGAGAAAGGAATAACTGAAAGAAAGG
AAATCCATTAGTTATTCATCAAAGTTTCATTTATCAATGACTAGAAATTAACGAGGATATATAGCTCGGAGAC
GTAGAACAAAAATTCGTTTATTTGCATCAAGCTTTCGAGGGGCTCATTCAAGACTTACTCGAACTATTACTCAA
CAGAAAATAAGAGCTTTGGCTTCAGCTTATCGGGATAGAGGTAGGCACCCCCCCCCCGCCCGCAAAGTGGGG
AAGGT

>trans_s_5319 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

TCCCACAGGGCAGTCCAAGGAGATCTTCTTCTATATTTCTACATCTAGGATCCGACTTGATCATTGATACTA
CTAGGAATTGAATCATTATGGCAAGGAAAAGTTTAATTCAGAGGGAGAAGAAGAGGCCAAAAATTGGAACAA
AAATTAGTAACTAAGCAGGATCCTTAAACAAGAAATAAGCAAAGTTCATCGTTGAGTGAGAAATGGGAA
ATTCATGGAAAGTTACAATCCCTACCGCGTAATAGTGCACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTAAACCGG

AAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGGCTCTCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCACCATGT
GGTA

>trans_s_5320 EU922227|Geranium carolinianum ribosomal protein S16 (rps16) gene, complete
cds; chloroplast

ACTTCCCATGAGTAGTCCGGGCGTATAGTGAAACGCCCATGACACCTGTGACTGGTCAAGGTTCTTATTAGAG
GTTATGGTAAACTTCGTTTAAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAGCCGTTTATCGAATCATTGCAATTGATG
TTCGATGCCGAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGTAAAGTGGGTTTTATGATCCGATAAAGAATCAAACCTATTT
AAATGTTCTCTGCTATTCTATATTTCTTGAAAAGGGTGCTCAACCTACAGGAAGTGTTCATGATATTTAAAGA
AGGCAGGTGTTTTACGGAAGTTCACCTTAATCAATAACCGAAATTCCATTTTTATTAATGAAATAAAAAAAT
C

>trans_s_5321 AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

CATTTCTTACCAGCATTTTTATGTCTTCCCTGTCCATGTTCTCTTCTTTCCCGTGACCTCCATGGTTTCGATCC
CGCTGCACAATAGTGGACAACCTTTGACTTTGTGCGACGTCAATGTTCTCAGGATGACGCCACAACATGGCCATG
ACGAGGTTGTAAATGGGAGGAATGGGCTTGATATGTCGTTGAAGTACATGTTCAAGAAGTCCTGCTCAGCA
AACAAAGTTGGAGTAGTGGCCTTGCAAGTCTCAAGAAGATCCTTGTAAGTGAAAAGATCAGGTTCATACACAC
CAAAAAAAAAACAAAACCTCCCTCAGAGCCAATCCTTTCCCGAGGTTACGGATCCATTTTGCCGACTTCCCT

>trans_s_5322 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCTACCTGTTGAGTTCTTACGCTTTTCATGTCTCAA
CTCAGTTCATCCGATTATTACAGAGATGAACCTAAGCCGGAATATGAACCATAAAAGAAAATACCAACTAAAC
CGATCACAAGAATACCAGTTACAGTACCGATTATCCAAAGAGGAATCCTTCCAGTAGTCTCGGCCATTTGTCCC
ACTTCCCTCCCCATTTTCATCAAGTGGTCTGCTAGAGACAGAAACAGTCATAGATAATTATGAGATGATATCCT
TCCGAATGGGATAAGATAATTGGTAAAATCTTGGTTTATTTAATCATTAAATCATCAGGGACTCCCAAGCGTA

>trans_s_5323 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

TGTTGTCGCAACGCCGCTACAACCTCCCTTACTATCGTGGAATTTGTACATACCACTTCTTAAGGTCCTTGAATA
TCTTCCTCATGGCAGTCCATCTGAAGCATGTCTAATGAAGATATTTGTTGCTACAGTAGAAGCGATTCTTCAA
GAGCATTTCCATCCGAGTCTTCAACAGAGCGTACAAGGAACTCAAATATCTTTCTGGAATTGGTTATGTCTCT
AAGAACATTTCTGTATCAGAGCTCCGGATGATGGTTCACTCTCTTTCTTAGAATCGTGTGCTTCAGAAGAGCT
TGCTTCACGTTTACTATTTATTGTGTTAAGTGTGTTAGTCACGAAGCTCAATCAAACGGAAGA

>trans_s_5324 FJ652103|Prunus dulcis lipid transfer protein 3 precursor, mRNA, complete cds

ACGTGACGGGCGGAGGATCCCCGTCATTTAACTGTTGCAAGTGGTGTGAGACAGTTGAACAAGGCAGCTCAGA
CAACGCCGGATAGACAGGACGTATGTCGGTGCTTGAAAACATTGATCAATGGCGTTACGTATAATGGCCAAA
ATGTTGCCAATGCTGCTGCTTCCGACCAAGTGTGGCGTCAATCTTCCCTACACTATCAACCCCAATGCCGAC
TGTAGCACCATTAAATGTGAGGAAAATCAAGCAGCTACACTGCAAGACGATGTCGTATCGATGGAAGAATA
AATGGAGAGAGCATTTTGCTATGAACAAATTATGAACTTTGTTTTGAAATATTGTCTACTTGAAAACCTTTGT

>trans_s_5325 XM_002327434|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS47),
mRNA

CGTCACGACCGCCGTCAGCTTCACGGTGACCTTCCCTTTCTGGCGACCGGAGAGAAGATGGATTAGGTTCATG
TACTGACCGCCTTTTCTATATCGAAATCCACAACGTGCAATTTCCGATCCTCTTCCCCAATCGCCTCAAGAATC
GCGAGATTCGCCGCCATGAAAGCGAGCTTGAAGCAAGGAGAAACATCATACAGCAACTGAGTGGCGGCCGA
GTGCTCATCGCCGTAAATCTCCACCACCGGGGGCGGAAATTCCACAGGATTACCCGCGATTTGAGAGCCAAA
ACCATATACTCCGCCAATCTCTGTACAGAGTTACCTCTGGCATTGCAATCTTAACCACCGGCGCAAGAATC

>trans_s_5326 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CATCTCGCGCGGGGACTATTATTGCACAGTTGTGCCTGGGCTGTGAGGGCTCTCAGCCACATGGATAGTTCAA
TGTGCTCATCAGCGCCTGACCCTGAGATGTGGATCATCCAAGGCACATTAGCATGGCGTACTTCTCCTGTTTGA
ACCGGGGTTTGAAACCAAATTCTCCTCAGGAGGATAGATGGGGCGATTACGGTGAGATCCAATGTAGATCC
AACTTTCTATTACTCGTGGGATCCGGGCGGTCCGGGGGGGACCACCTCGGCTCCTCTCTCTAGAGGCTTG
CGTGCTTTCCGCTGACGCGCAAGTGATCGCTCTCTAGATGTGAACCCGATGGATTAAGAATACCCTTAAAT

>trans_s_5327 AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

CATTTCTTACCAGCATTTTTATGTCTTCCCTGTCCATGTTCTTCTTTTCCCGTGACCTCCATGGTTTCGATCC
CGCTGCACAATAGTGGACAACCTTTGACTTTGTGCGACGTCAATGTTCTCAGGATGACGCCACAACATGGCCATG
ACGAGGTTGTAAATGGGAGGAATGGGCTTGATATGTCGTTGAAGTACATGTTCAAGAAGTCCTGCTCAGCA
AACAAGTTGGAGTAGTGGCCTTGCAAGTCTCAAGAAGATCCTTGTAAGTGAAAAGATCAGGTTTCATACACA
AAGAATTTGGGTAAACTGGGAGTGAGCCAATCCTTTCCCGAGGTTACGGATCCATTTTGCCGACTTC

>trans_s_5328 NM_001054484|Oryza sativa Japonica Group Os02g0720100 (Os02g0720100)
mRNA, complete cds

AAAGCAACCCATTCTCTCTCTCTCTTTCTCTCTCTCAAAAAAATTAATAAATACTCTTTTTCTTAATTCTCA
TCTTTTTTTTCTCCGTTTATTTGTTCTACTCCGAAGAAATCGAGAGAAGAGAGGATTTTCCATATCAGATTAA
AAGCTTCAGCCCCTAGCCATGGCAGTGGCAATGAAGAAGCTGGTGGCGGTTCTTACAGTGGCATTGTTTTGA
GAACGGCGGTACCGGTTGCCGAAGTGGAACGCACCATGTGGTTGGCGGCGACAGGGGATGGGACGTCTGAT
TCGGACATCGGTTCTTGTCGGCCGGAAGAACATTCAGAGTGGGAGACAAAATTTGGTTCGCATACT

>trans_s_5329 AJ236706|Humulus lupulus H17SL-1 gene for signal recognition particle

GTGTTAAGCATGCCGCCAGCGTTCATCCTGAGCCAGGATCGAACTCTCCATGAGATTCTCCACCCTGTTCTGGGC
TGAGAACAAACCACTGTGTAATGTTAGACCCACCAAGAACCGGCCGTTATCCTTCCACCGCTGAGAGTGGGT
GGTAACGCTGCTCTGTGAATCCAGCCTCACGCGGTGCCACCATCTCTAGTGGCGATGAACTTTGGTTCTGT
CGAGAGCAAAAGGCCAGCTCACAACCTTGAATGGGCAGGCCAGCAATCATCTCAGTAAAGCCCTACACGGC
GGAACGAACCAACCTTCAACACCTCAGTGCCCCCACTTGGGTTACAAGCTCCATTACAGAGCTCGGC

>trans_s_5330 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GATCCTATTCTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGGAAGGATGAATCGCTCCCGAGGGAAG
GCTCGCCAGCCTCTCTTTGGCCAACCAAGTTACGAACATAGCAGCCCGTCTGTAAATAGAACTCTCAACCCAA
GTCCAGGATGGCCAGCTACGCCAAGGAAAAGAATAAAAGAATAGAAGAAGCATCTGACTCCTTCATGCAGG

CCCCACTTGGCTCGGGGGGATATAGCTCAGTTGGTAGAGCTCCGCTCTTGCAATTGGGTCGTTGCGATTACGG
GTTGGATGTCTAATTGTCCAGGCGGTAATGATAGTATCTTGTACCTGAACCGGTGGCTCACTTTTTCTAAG

>trans_s_5331 AM489938|Myrcia pubipetala plastid external transcribed spacer, ETS, specimen
voucher Lucas 86 (K)

CACGATGGCTTAATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAGTCAAGAGACCCCCCT
TTGTCGGGCGTACGTACGCAACGCCAAACGGCATTGGAGCAATACGGGGAGCGAGCGTCATTCTGTTGAGCA
ATGAGCAAAGGCAACACGTTTTGAGGGACTTATCATGCCACCGAATGCACTGCATCCGAGAGAGCGAGCGCC
AACGACGCGGCCCGCAATGACAACCGAAGATGTCAAGGCGGAACGCGATGCGGGCTATCGGGTTCGTTGTCC
ACCCAAAGATGGGTGTCGACAGAAAGGGGCCAACGGGACGCGACGCTTCCATCGAGTGAGGTACCGATGCA
AG

>trans_s_5332 EU922227|Geranium carolinianum ribosomal protein S16 (rps16) gene, complete
cds; chloroplast

GATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGTGAATTATACGCGACAGGGTATTTGTGGAACCTCCATTAGAGGTTATGG
TAAACTTCGTTTAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAGCCGTTTATCGAATCATTGCAATTGATGTTGATG
CCGAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGTAAAGTGGGTTTTTATGATCCGATAAAGAATCAAACCTATTTAAATGTT
CCTGCTATTCTATATTTCTTGAAAAGGGTGCTCAACCTACAGGAACTGTTTCATGATATTTTAAAGAAGGCAGG
TGTTTTTACGGAACCTTACCTTAATCAATAACCGAAATTCCATTTTTATTAATGAAATAAAAAAATC

>trans_s_5333 EF590945|Lagenaria siceraria voucher USDA PI271353 NADH dehydrogenase
subunit J (ndhJ) gene, partial cds; chloroplast

TTTAGTTTAAAAGCCCGAGGAATGGCATTCCATTGCAGTCATTTTATATGTATATGGTTACAATTATCTACGTTT
CCAATGTGCTTATGATGTAGCACCAGGCGGACTGTTAGCTAGTGTGTATCATCTTACGAGAATCGAGTATGGT
ATAGATCAACCGGAAGAGGTATGCATAAAAGTATTTGCCGCAAGGATAAATCCTAAAATTCCGTCTGTTTTCT
GGGTTTGGAAAAGTGCGGATTTTCCAGAAAGGGAATCTTATGATATGTTGGGAATTTCTTATGATAATCATCC
ACGTCTAAAGCGTATCTTAATGCCTGAAAGTTGGGTAGGATGGCCGTTACGTATCGATTATATTGGG

>trans_s_5334 AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

ACCGAACGACAGTATGCTCCTGCGAACAGGGGCATTTCAAACAAATGGTCTATGTTTTCGAACACTTGGATGT
CTCCATCAGGGACTATCAGTTCTCGTACTCCACAACTCCCAGATCCTGAGCTTTGAATAGTTGATAACATAG
TAAGCCATGGCAAACCTGGGTCTGGTTTTCCGGAGGGTAAACAGGTTGATCTCACTGACGACACAACCCTGAT
ACTCGAGGATTTGGCGATGATCTTCAGGAACATCAGGAAGGACAGCGACAATGAGAGGGTAGGCGGCTTTG
ACCTTTCTGAGACCCTTTGCCAATCCAACCTACACCTTTCCAGTAGTCACCATTACCAGCTAGAAGTTACG

>trans_s_5335 AF403444|Lycopersicon esculentum beta-mannosidase enzyme mRNA, complete
cds

ACGAACCTCTTACTCGTTCAAAGGCTGACAACTATGCTGCTCAAAGAGCAAGAGATTTCCACGTTGGATGGTT
TCTTCATCCTATTGTATATGGTGAGTATCCAGAACGGTTCAAGAAATCGTGGGTAATAGGCTGCCTAAGTTCA
CAAAGGAGGAAGTCAAAATGGTAAAAGGCTCGATAGACTTCGTTGGGATAAACCAATACACGACTTACTACA
TGTATGATCCACATCAACGAAAAGCTAAAGTGCCTGGCTACCAACAAGACTGGAATGCAGGATTTGCCTATGA
GAAGCATGGAGTTCCTATTGGCCCAAGGGCTCATTCTATTGGCTATACAATGTCCCATGGGGAATGT

>trans_s_5336 GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

ATATCTATATCATAGGACCAAGTCTATGCCTCTGTGTATCCGCATACGCAAAGCTCCTTGCTTGCAACATCTTAT
CATCCGAATAATGTATCCCCGGCACCAACGACATGGAGAAAGCCAACATCTCATTCTCCGCAAAGAAATTATC
AATATTCTTATTCAACACCAATCTCCCCACCGGCTGTAACGGAATCACATCCTCCGGCCATTGTATCGTCGTATC
CAACGGCTCAAAATCATAATTATTCTGATCCTCATAATCAATAGTCTGTATGTAAAGCTTCCACTCCGGAAAATT
CCCTGCCGCAATCGACTCGTACAAATCCTGTGTGGCGTGAAGTGTGATTATCCACCAAATC

>trans_s_5337 NM_179905|Arabidopsis thaliana RNA polymerase I specific transcription initiation
factor RRN3 family protein (AT2G34750) mRNA, complete cds

TTTTTGACAACCTCTTTGGTTACTACTATATTGAAAAGATTGGTGGATTGGTGTTTAGAATATGGCGAAACACT
GAATGTTGACCCGAACCCAAAGGCTCATAAGTATTTTATTCTGGTTGCCAGGCCATAATGTATGTGCTTTGCT
TCCGGATGAGGTCCATTTTGAAATTCCACGTCTGAAGTCCCAACTTCTGCTTATGCCCATTTGGTCTCTCTTGA
CGCATAGATTAAGCCCACTGAAGGTTTGCCTACCATCTATTGTTGAGGAATTTCTTCAGCAGGCAAAAGTTGCT
AATTTATTTACACCGTCGGAGACTTTTATATTCAATGGTTTGCTGGACTCTGAATATTCAAGA

>trans_s_5338 XM_002309102|Populus trichocarpa Ca²⁺ antiporter/cation exchanger, mRNA

ATGTCATCCTCTTCCTTACGCAAAAAGTCCGATTTAACCCTCGTCTCCAAATCCAATTCGGCTGTCTCCGTAAG
TTTTGTATTAATCTTCAGGAGGTCATTTTGGGAATAAATTTCCATTCTCTCCCCGCGATTCCGTTGCTATTG
TCGCTCACAGTTTGGCTTTGGAAGACCTTGGATTTTGCATTGAGTTTGCTTGGCCTTACGCCATTGGCTGAA
CGTGTGAGCTTCTTGACCGAGCAAATCGCTTATTTACCGGTCCAACAGTTGGGGGGCTTTTGAATGCAACAT
GTGGAAATGCAACGGAGCTGATAATTGCAATATTAGCACTGACACAACTTGTGCGACGT

>trans_s_5339 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

CCGAAAGGCGTAGTCGATGGACAACAGGTGAATATTCTGTACTACCCAGTAAAGATTTATGATACATGTATA
GGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCTTGCCCCACAGATGTATTAGAAATGATACCTTGGGGCGGATGTAAAGCTA
AGCAAATAGCTTCGGCTCCACGAACGGAAGACTGTGTTGGTTGTAAGAGATGTGAATCTGCCTGTCCGACAG
ATTTTTTGAAGTGTTCGCGGGGCGGGCGTTACGTTTTGTTGAGCTTCGTACCCAGATCAGGCGGTGCGATGGAG
AGCCCCATAAAAGTCCGCACGGGTCGGGAGGGGGGCAATACCCCCAGATGTAGATGGAGTGGTGA

>trans_s_5340 EF207452|Penthorum chinense inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CCCCTCTCCAGTGTTAATGGCGCTCGTTTGTATAATTAGACGAGGAACACATTTTTGCTATTCTACTAATACTTG
TACTTGCTCTGCTATTCTGCCCAGCCTGGCTGAGGAAGAATTACGGGGCGTAAACAAAAAATATGCTGAT
TCGGGTTGGGTATACTATATTTAATTTATAACGGAACCCCCGCCCTTAACCCATTAACGAAAAAGAAAAATCA
AAAGATAAGGCCATTCCATTTGACAAAAGACCCACACCCAAGTTCCATAGCTTTGGGTCCGCTATCCCGATCA
TGATTTTCTACCCCCAGAGGGAAAAGTCCTTCCCTTTTGGCCCCAACACAATAGAGAG

>trans_s_5341 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

TTAGGGGAGTTGATCGGATGCTGCCAACTTGGTCAGCCTTTACCTGACCAACGACCTAATACTACGCAGGCTC
ATCAAACAGCGCTTTTGTCTTCTCAGGGCCCAATTTACCAGTGGATACAGATTCCCACGCGTTACGCACCC
GTTCCGCACTTTGTTCTCACTCTTCCCACCTTGAAAGGCGAGACAAAGCGTTGAGCCTCTTTTCTTCTGCCTA
GCTCCCCGAAAACAACGTTGACTTGCATGTGTTAAGCATATAGCTAGCGTTCTTCTGAGCCAGGATCAAAT
CAGATTTTTTGTATGATTTGCATTATACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATC

>trans_s_5342 AM945363|Chassalia catati chloroplast partial tRNA-Thr gene, specimen voucher
Razafimandimbison 480 (UPSV)

ACAGCTTTGTGGACTATGCTGCTGATAGGAGCTTCAGTTTTGAACTTCAAGTTGATGAGAAGGTGGAATCCC
CTTGATTCTGGAAATGGGAGAGTTTAGAAGTCTCTTAATATACAACTAGCAGGTCTTGATTTTACTAGTTGTT
AACCATTTCCCTTGGAAAATGTTAAGGCAGCATGAACAGGATAGGACCATGTTGATGAAATCAGTCTTGACCA
AAGAGCTGGAGAAAAGTTCTTGATAGATGATTGAGTTACGGAGAAAAGTGTATCAACACGTTGATATTTTC
CAAACTTGAAAGGAAAGTATACATAGTTTCTGAAATGCTGTTCCACAAAATTGAAAATGTT

>trans_s_5343 AY133660|Arabidopsis thaliana At1g59710/T30E16_31 mRNA, complete cds

GAAAAGACTCACTATACATTACTTCAATACATCTCTCCGTTCTTCATTACTACGATGAGGATAGGATTTGTGTTT
TGCTTTGGCCTGGCCCCCTGTTTGAATGATTGATCGATACCAATCACCCTTTTCTTTTTATATCATATCAAATCAAAT
CAAATCAACCCTTGTCTCGAACTCACTTCCCAATGTGGAAGACTAAAGAACTAGAACAACCTTCAAAGTTCC
ATTGTTGGGAGGAAGTTGCAACCGAATTGGATAAAGCTTTCATTGAGAGGGCTACGAGTACATACTACA
CCTTCAATTCCCATATCTTCTTAATTTACGAGTCAATTCCTCCACTCCTTCCCAT

>trans_s_5344 AY792593|Cucumis sativus ethylene response factor 1 (ERF1) mRNA, complete cds

GTGTGGAACAAAAGGGTAAAAGCTCGTTTGATTCTGATTTCAGTACGAATACGAACCGTGGCGGCTGAAGC
CCGAGTCAGAGTAGCACGGTTGAGTCTCTAGCCGGGAGCAAGCTCTGATGGTTGATTCTCCCTTTGGATC
TCAATCTAGGTCACGGTATTGGCGGACTCACGACCGCTGGACCCATCAGTTTCCATTTACGCGTTACCAAATT
CCCATGATCGGAGAAGTTTTTACCCGCGGCATACCGCCTTCGAATCACGTTCTGTATTTGATGCGGCTCTACG
TACTGGAATGATCAACAGTCATCCGAACCAACGGCTACACTTCGACCGTATTGCGGGGATAA

>trans_s_5345 X80170|O.berteriana rpl2 gene

CGGAGTTTTAGGCGGCAAGAGACTTTAGGGCTTGTTGGAGGTGCTGAGCATAAGGAATCGAAAGCAGAGAG
GGATCAAGGTAGCTTACCTGCCAAGCCGATAGGCGAAGGGCCGAAGGATGGAGCGTGCAAAGTCAATCGTG
TACCTGTCACTTATTTTATAGCCAGTCATAAATGTTGAGCGGGCGGAGCAACAGCAGGCCATAGCCAACTTGG
GTTTTGACACGCGACTTATTGCGACCCGCCCGAATGGCCATACATACTCAGACCTTATTACATCACACAGC
GAAGAAAGGCCGAATAGAAGGGGGCACTTATCATCTCCAATTGTATTTTTTTAAACCGGGCGT

>trans_s_5346 GQ998004|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 photosystem I
assembly protein ycf4 (ycf4) gene, complete cds; chloroplast

CAATAAAAATTAAGCTTTATTCCATATAAAGGACACGACGTGCATAAATACCCTCTTTAACTTCTATTCTGATGG
ACTGAATGTCTTTCATAAGGAATCGTAGGAAGATTGACGATTTTTTCCAGGAAACCCCCAACGAAAAATAGA
CACTATTTCTTCTTTCTATCGAATCGATCATAACCGCTACCTACATTACACCCCGTGTGCACCACAAATAGGA
GCTAATAAAGAGACCGGCAATCCCATAGAAAGACATTACGATCCCCTGTGGAAAAAAATTTATTTGCTGAGAC
GGAAATAAAGCTATCAAATCCCTACCAAGATAACTGGAAGTTCCAACCAATAAACA

>trans_s_5347 EU016710|Acorus americanus NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 4
(ndhD) gene, partial cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCGTCCAAGAATCGATGGACTTTCCATA
GGACCCATTTTACTGACGGGGTTTATCACCACCTTAGCTACTTTAGCGGCTTGCCAGTTACTCGAGATTCCCG
ATTATTCCATTTCTAATGTTAGCAATGTATAGTGGTCAAATAGGATTATTTCTGCTCGAGACCTTTACTCTTT
TTTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATCCCGTTTATCTACTTCTATCGATGTGGGGCGGAAAGAAACGGTTGTA
TTCAGCTAAAAAGTTTATTTGTACACACGCTCTTGGAACGGGGGGGTGGCCG

>trans_s_5348 XM_002867173|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GAMMA-VPE, mRNA

CTCCGTTGCGACGAGGAACGACTATCCAGCATTGCATATGTTTGCAAAGGATCTCATGTGTTTCATTCCGTA
GAGACAGAGATCCACAGCGTGCCTCGAAGCTCCTAACCATATTCCTAAGACAGTCCCAGTCATCAACAACGGG
TCGTCCTGTGGGACGGACGGCTTCAAGCACCTCAGGACCTTCTTTAATTCCAAACAACAGCTTTCCAAC
TCACACTGTTATCGATATGAGCTCTATGGGACATTGCTTCTACGAACCTTCTCTGAGCTTCGACTTTCGTCAGG
GAGCCTTCTGGAGCTTTCGAAACTTCTCCAGAAGTGGACCAGATCAGCGTCACGC

>trans_s_5349 AJ414385| Pisum sativum mitochondrion cox2 gene for cytochrome oxidase subunit II

CTACCATCAAAAAATGCCTATTATCTAGTTCGTTAAGCTTCGCCAAAAGCAAGACGAGGGCGCTCTGCTTCGTA
GACAAGGCTCGTCTAGTACTTGACTTACGAGTTCGTGTAGGACTCCCCCTCTCTCTAAAGGGGCTTATGCACG
GAACTCCTTGTCTACTAAAGAAGCGTTAGAGCGAGCGAGTTCAGCCTGAAATTGAGTGGTCTCCCTCCTTTTCC
CTCACTGAGATATTCTTTCTTTCATTTCCACTTAAGCTTCCCCAGGGATTAATTGATTGGATACCCAAGAACCAT
AATCTTTCCTAGAACTGCTTCTACGACGATAGGCATAAAGGCATGATTAGTTCC

>trans_s_5350 AJ316582| Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

ATATGACCAGCAACAAGAAAAATAAATGCAATAGCTAAATGATGATGAGCCATATCAGTCAGCCATAAACTTT
GCGTTTGCGGATGGAATCCACCGAGAAGGGTTAGAATGGCAGTTCCTGCTCCTTCGGAAGTACCAAATAAAT
GATTATTCGAATCGGGGTTTTGAGCATAAAGATTCCACTGACCTGTAAAAAGTGGTCTAATCCTTGGGGATG
TGGAATACATCTAAGAAATTATCCATCGAACAGATTCTCCCCTAGATGCAGGAATCCGCTCATGGACTAAAT
GTCTCACTCAAGCCAAGGAAGTACTCCGAATAGTCCTGACAAATGATGATTGAGACGA

>trans_s_5351 XM_001701095| Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CCCCAGCAGTAATGGTTCGGCTTAGGTCAACTAACACAAAGAAGATAGAGTTCCTCAACGATTGCCTTTGGG
TTCCGAAGTCCATATGGGGAAGGAGCGTTGTTGTTTTCGAGGTCTCGATCATTTACATGGACCCACTTTTCATT
CCATTTGTGGTAATTTGATGATTTATAAACCGTCCCTAACGAAGGATCGGCTCATTTTTCGCATGATAAAGAA
CTTCGTGCCGACCAGTTGCCAATCACTTTCCGGCTTCATATGAGAATGGAAAAGTGGAGCATTTTCTGCATCA
GTGGATGATAGGCTTCTTCGCTTTCATCAGATCCCGCAACCAGGGTACAAGGGGA

>trans_s_5352 BT026104| Arabidopsis thaliana At2g07707 mRNA, complete cds

AGAAAGAATGCCTCAACTGGATAAATTGACTTATTTACACAATTCTTCTGGTTATGCCTTTTCTTCTTGACTTT
CTATATTTTCATATGCAATGATGGAGATGGAGTACTTGGGATCAGTAGAATTCTCAAACACGGAACCAACTG
GTTTCACACCGGGGGAAGAACATACGGAGCAAGGACCCCAACAGTTTGGAAGATATCTTGAGAAAAGGTTTT
AGCACCGGTGTATCCTATATGTACTCTAGTTTCAAAGAAGTATCCCAATGGTGTGTCAGGCCGTGACTCGCTGG
GAAAAAGGAGGAAAATCACTTTTCTCTCTTGTTCGGAGATTAGAGGTATCCACGAGG

>trans_s_5353 DQ536659| Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought mellon maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

GCGTTTAGAAGCTTCTCGTAATAATGAGAAAGATTTCTGGATATACGCAAAAATCGATCAATAATATCAAAAT
CCGACGAATCGATCCAGTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAATTCGCTTTAGCCAATGAT
CCAAGCAGAGTAATAATAGGAAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAAATGAATTTTCTAA
CATCTGAGTCCATACCACTGAAGTATTTAATCGAACACTTGAAATATAGCCAAAAAGTCAACAGAACAGTAC
CCGCAAAACACTATACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGG

>trans_s_5354 DQ673256| Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

AATCGCTAGGCATCGACGCCAATAGCAAGCACGGAACACCCCGTGTGCACCACAAATAGGAGCTAATAAAGA
GACCGGCAATCCCATAGAAAGACATTACGATCCCCTGTGGAAAAAAATTATTTGCTGAGACGGAAATAAAG
CTATCAAATCCCTACCAAGATAACTGGAAGTTCCAACCAATAAAAAACCCTAATGAACCTAAAAAAGGATAAA
GGCCCAGCAGAAATTGCTGATTTTTCGAGATCCTCTTATAAATTCTATCCATATACGTTCTGATCGCCAATTCAT
ACTAGATCTCGTTGCATTTTATTGGAATTAAGAGAATCAAAAAAAGAGCCCCCACTT

>trans_s_5355 XM_002888563|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

GCCTATAGTTTGGGATAGGGACGACAACAAATTGAGCCATCCATCCCGTAATGGTACTGTCACAACGGTGATG
GGTCTTCCCCGGCCCCAGAAGTTGACTCGCCAGTCTCCTAATATCATCTCAGACCGAGGTGAACATACATCTTC
AGTCAGGAATAGTGATAACGATAATGTTGCATCTTCTTTAGCCTCTGGACTTGAAATGTCCGAGTCATTAGCCT
CTCCTGTTTTGCCAAAGCATTTACACCATAATGTAGAAGTAGAATTGTTAGATAATGAAGATAATGGCCCAGC
AAGGAATATCTCATTTTACGATGGGCAGGTGGAAATACCTCGCCAGCTACGTCCT

>trans_s_5356 DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K
(matK) gene, partial cds; chloroplast

AGACCCAGAAGCTTCTCGTAATAATGAGAAAGATTTCTGGATATACGCAAAAATCGATCAATAATATCAAAAT
CCGACGAATCGATCCAGTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAATTTGCTTTAGCCAATGAT
CCAAGCAGAGTAATAATAGGAAGTAGTGATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAAATGAATTTTCTAA
CATCTGAGTCCATACCACTGAAGTATTTAATCGAACACTTGAAATATAGCCCAAACCGGACTGTCAACAGTACC
CGCAAACACTATACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGG

>trans_s_5357 EU017282|Trachelium caeruleum photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,
partial cds; chloroplast

TCTCCCCGGTAATGACAGATCACAGCCATATTATTTAAAGCTTGTGGTAAGAACGGGTTTCGTTCTAGTGCCCG
AAAATAATATTCCAAAGCTTTTGTATGTTCTCCGTTCTTGTGTGGATAAGACCTATGTTATAGAGTATATAACT
TCGATCATAGGGATCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAATTCTGTAGAGCTTCCGCATAATTTCTTCGGA
TTGAGCCGACAAGGGTGAGAGTGCCGCTTGTTTACGGAGAAAATCCCCGGAAGTTGTCGGAATTATTCGTAA
TAAGATATACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCG

>trans_s_5358 DQ629473|Marattia attenuata small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast

CACTCAAATTGGGGCAACTAAACACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCAACACCTTACGACACGA
GCTGACGACAGCCATGCAGCACCTGTATGAAATTACCATCCCGTTAAGGACAGGTTTTCTTGTTTCATATGTCAA
GGGCTGGTAAGGTTTTGCGCGTTGTATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGTGCGGGCCCCCGTCAATT
CCTTTGAGTTTCATTCTTGCGAACGTACTCCCCAGGCGGGATACTTAACGCGTTAGCTACAGCACTGCACGGGT
CGATACGCACAGCGCCTAGTATCCATCGTTTACGGCTAGGACTACTGGGGGTATCG

>trans_s_5359 AJ421780|Persea americana chloroplast mRNA for RNA-binding protein precursor
(rbp33 gene)

TTTACCTTCTCTATTCTCCGACAGACCCCCACATACTTTCCTCTCTTCCCTTCAAATTCATCCCCTTCCATCTTT
CCTCGTCGTCTTCCATTCTTCATGCTTTTACCCTTCAAAGAAGAAACCCCATCTTCCCTCTGTGGCTCAAACCTC
CGACTGGGCTCAAGAAGATGACACTATGACCATTGACCCAAAACCTCGACAACGACGAAGATGCGGAAGAAGA

AGGCGGCCCCCATTGGGAAAATGAAGAGCTCAGTGAAACTGAGTCTCGTATTTCTGATTGGGAAGGTGAAGG
CGAAGGCGAAGATGGAGGAAGTGAGGCTGAAGTAGGAGGAGATGAAGAAGAA

>trans_s_5360 EU580727|Citrullus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA,
complete cds

TTTCTCAAAGACGAGGGAAGGGCTACCGGTCAACGCAGTAACCCATGACGTTGAACACTGCTCTGTGACGGT
ATTGGATGAATTTGTAAGTGAAGAGACCCGCGCAGATGCCGAGCCAAAGCAGTAAACCCAAATCCTCTGCC
AATTGTCTTCTACAAAGTACAGGAACTTGTCGTATGTTCTTATGATGGGGTTGGTTTCGTTTGTTGGCTTCAGTT
TTTGGCTTAGTAATTGACTTAGAACTCGGCCGGTGCATCCCTTCTACTGATTGATTGGAGCTTGTAGTAACAG
AGTTTCCAGATTTTGTATCATGATGTACCCAGCATTTAGCAGGCTGAGGTCTCGT

>trans_s_5361 XM_003080665|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot08g01420) mRNA,
complete cds

AGGAGAGGAGCGAAGCCACTCGACTGAGGTTAGGAAGGAGAGGAGCCGTAGAATTATAAGAGGTCTAGAT
GACGGGTTAGTGGAATTTTCTTCGTTGCACTCCTTTTCATTGAATTTGAAGGATAAGGACTTTCGCTTTCATTCA
ACTCCTAACCGCTCCTTTTCTCCTTCTCAGAGGAATATGGATTCAATTAAGGGTCCGTCCGTAGGTTATGAAAT
AACTCGACTGATAAGGATCAAAGAATGATCTCAGAATTTTCAAGCTCATTCCTTATTCTGCCACTTAGAAGGAG
CCCGACGAAGCCCTCAATCACCTCCCTGACAGCTCATCGACGGGACGCCAGA

>trans_s_5362 AP009370|Barbarea verna chloroplast DNA, complete sequence

CTTGTAGCATACCATATCTCAATGGACTGGCGTACGGGGTCTACTGCGTGACGTTTCCATAATGATGGTGTTT
TTCCAAATCAAACCTTTGTTGTTTCAGCATCTTGGACTAGCCATCCCTTAGAAGGGATTGTTAAAGATCATCAA
TTCCTAATGAAATGGATGTAGCAGTGGCCTGCTGGAACCCAGAGTCTTTAGTTGATCCAGGATGTGTGATGT
ATATGCCATTCCGAAGTGATCTATTAATCTGCTAATAAGTCGTTAATGGCAGTTCCATCTATCACTTTATTGTG
AAAGACCAGATCGGCCCGTTCCGCCATAAGTACCTGCGTTAGCATCCGCAGG

>trans_s_5363 Novel Gene

AAGAAGACGGTTGAAGATTTTGCTAAGGTTTCATCTCTCGGAATCACCAAAGCAGCATCGGCACCCCTGAGG
AGCCTCAACAACGTCCAAACCCGAACCAGCTCAAGGTCTGATCCTCTGAATTGTTGTGATGTTTGTTGATATC
TATGTGTCTGAAAGTTCTGTAGCTGTAATTTGTACTTCCCTTCATCTCTGGCATGGTTATTATATGTTAGGGT
GAAAATATAGAATAGATTTCTCCTCAATTAGTGGTCAGACTTTATTGCATAAGATATCTTCATTTTTCATAATA
TAAAAACAGCAAATTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5364 GU902271|Piper sp. SM-2010 thylakoid structural protein (psbB) mRNA, partial cds;
chloroplast

GAATGATTAACACCCCACTAAAAAATTCGCGCGGGGTGCTCAGTCTTGAGGGGGAGGGACAACGGGG
ATGGAATAGCTGTTGGTTGGTTAGGACACCTGTTTTAGAGATAAAGAAGGGCGCGAACTTTTGACGCCG
TATGCCGACCTTTTTTGAACATTTCCGGTTGTTTTGGTAGACGGAGACGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCTT
TTCGAAGAGCAGAATCGAAGTATAGTGTTGAACAGGTGGTGTAAGTGTGAGTTCTATGGCGGTGAAGTCA
ATGGAGTCAGTTATAGTGATCCTGCTACTGTGAATTTGCGGTGATCACGTGTCTGTA

>trans_s_5365 EF530141|Actinidia deliciosa cysteine protease Cp1 mRNA, complete cds

AATTGTGGCCTTGACACTGAAGCAGCATATCCTTACACTGGAAAAGACGGCAAATGCAAATTCGTCTCTGAGA
ATGTTGGAGTACAAGTTATTGATTCTGTGAACATCACTCTTGGCGCTGAAGATGAATTGAAACATGCAGTTGC
TTTTGTTGACCTGTAAGCGTAGCATTTGAGGTGGTTAGCGGTTTTCGCTTGATTCAAAGGAGTTTACACCA
GTAACATCATGCGGCAGTACCCCTATGGATGTAAACCACGCTGTGCTTGACAGTTGGGGACCAATCCATCCCGAA
CTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACACATCCCCTCCAGGACGCCTG

>trans_s_5366 AF082030|*Hemerocallis* hybrid cultivar senescence-associated protein 5 (SA5)
mRNA, complete cds

AACAAACGCGCCGAAAAAGTTCTTTCGAACAGAGGATATAAAGAGTACAGACTCGGTGATTACTCCAAGTGG
CTACAGAATCGCGTCAGGAACAACAAAGATTGGAACAGAATCAGAAGCTGTTAGTCGACAATGGAAGTAC
ATTGAATTCAACCAGAAATTCGCTTCTGAAACCGTTGAGCAATTCTACCAAGAACAATTATCTTCAATTCAGTCT
GGGTGTTGCAAACCGGCAGATGAGTGTAAATTCACGTACAAGACACCGACTCAGTGGGATAAACCGGCAAAT
GTTTCAAGTTTTTTCGAATCCGGACTGTGTGGGTGTTTTCTGCCCTGGACTTTTCG

>trans_s_5367 DQ001751|*Rosa* hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GCGTCCTGTCCTTGTGCTGTGCAGCATACAACCTCTCCGTTGTACTGCGCTCTCCAAGTGTGCTTGTTCCCCCTT
CTTCCTTACCATGGCAAGTCTTTGTGAAATAACTCCGATGAGAAGAAAAAGAAGGCGTTAAGAAACCTCCT
GGCCCAACCTAGACACTCTAAGATCCTTTTTCAATCTCCTGGTCCCTGCGGAAGAAAGGAAAAAGAATTC
ACGTTCTTCCTTCGCTTCGGGAAGGGAGGATTAAGAAAATCCTATTGATTGCAGCTTCTCCAGACCTCCGG
GGGGGATGCAGAAAAAAGGCTCGAATGGTACGATCCCTCCGTACCCAG

>trans_s_5368 AP009374|*Lepidium virginicum* chloroplast DNA, complete sequence

AAGAATAGACTAAATATTAATCCTTTGCGCAAGATAATCCCCTCAAAGGGGAGGTCCGTAGCATAGTTTTTTT
TTCAGTGCAATAAAGTTACATAGTGTCTATTTTTCTTGATAAAGGGGTATTTCCATGGGTTTGCCTTGGTATC
GTGTTCATACCGTTGTATTGAATGATCCCGGTCGTTTGCTTCTGTTTCATATAATGCATACAGCTCTAGTTGCTG
GTTGGGCCGTTCAATGGCCCTATACGAATTAGCAGTTTTTATCCCTCTGATCCTGTTCTTGATCCAATGTGG
AGTGTCCCATACAAGCAATATGGGAAGTACTGAGCCCCGAAGGCGGTTG

>trans_s_5369 NM_001186259|*Oryza sativa* Japonica Group Os02g0804150 (Os02g0804150)
mRNA, partial cds

CAGATTCGCCATGGGTAAGGTTTCATGGATCTTTGGCTCGTGCCGGTAAGGTGAGAGGCCAGACACCAAAGGT
TGCTAAACAAGATAAGAAGAAGAAGCCACGAGGACGTGCTCACAAACGGATGCAATACAACCGCAGATTTCG
AACTGCCGTTGTTGGTTTCGGCAAGAAGAGAGGACCAAACCTCGTCCGAGAAGTAAGACACTCGAGAATTCGG
CTAAACAGCCATTTTTTCATGTTATTTGGAGATATTTTATACTCCGTTAGTTCCTTATTGATGTGGTTAAGCTG
ACATTTTATCTGGATGATGATAGTATTTTTTCTTGAGGAGTTTTCTGTTTCAT

>trans_s_5370 NM_100323|*Arabidopsis thaliana* dehydration-responsive protein-related
(AT1G04430) mRNA, complete cds

AAGGACATTTGTATGATATTTGATAAGTGAAGATAGCCTCCTAACTTGCAACACCACAACCAACATCAAGAA
CAGTACGCAGTCTTCCTTCATTGTTTAGATTATCATTAGAAAAGTTGAGCATGTTTGCAATTGAAGCAATGTAC
TTATCAGCTCCATAGTGAATGAGTACCTCCTCCAGGGAACACAATTTTTTACCTTTGACAACCATCCAGTTC

TGATCAGATTTCTCATGAGCAAGATGAGTATGGGGAATGTTTGCTTTCCACACTTCATCTCTGCTCTTAGGCCA
CTTAATTGGGACCTTCAGGTGATGCTCAGTGTTACCAAATTGCTACCTT

>trans_s_5371 EF595910|Mullerargia timorensis isolate 2007-B3 tRNA-Gly (trnG) gene, partial
sequence; chloroplast

TCCTGTGGAACCTCACTCTCTCATGCCTACAAGGACCCGCTTTATAGATGATCCCTATACAAGAGGAGATTATA
ACAATCTTTCCAGTTATTTATTTTCGTTCCCTATTTCTATTTAATATAATCCTTAGGAAAAGTATTTTGTTCCGCC
GAGCTAAAAAACGATGTCGACGTCTCTAGTAAACCAAAGACATTGTTAATAGCTATTTTGTTTGCTTCAAT
CTCCCTTATACAAAGAAAAAATTGAAGATTAGTTACGATTAGAAAAAATCCACCTTTATCCATGGATCCCTT
ATTCCTTCAATTGGAAGTATTGATCCAATTCAATAAAATTATGTTTC

>trans_s_5372 XM_002875190|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase
family protein, mRNA

AATACGGATAGGCATGCTGGGAATCTCTAGTTCGGAACTTGATGGAATAGGAAGGTTTGGACAAGTGGAG
CTTATTCCTATAGATCACGGTCTTTGTTTGCCGGAGACATTAGAGGATCCATACTTTGAGTGGATTCAATGGCC
ACAAGCATCAATCCCATTTTCAGATGATGAGCTCAAGTATATTGAAAATCTTGATCCAATCAAAGACTGCGAG
ATGCTTAGGATGGAGCTACCATGATTCGTGAAGCTTGCCTTCGGGTTTTGGTACTGTGTACAATTTTTCTGAA
GGAAGCTGCTGCTTCTGGTCTCTGTCTTGCTGACGCCAACAGAGCAGCAGAT

>trans_s_5373 Novel Gene

GCACCTTTTTTTGTTATCTAAAGGCTCCAGTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGGCT
CCGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTCGTTTTCGAATGTCTCGTTCA
GCCTCACGAGTCTACAAGCCTTTCTCATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGGTCCCGAGAGAGCGTACCGCC
ATAGTCGTGAGTCTGTGATGTATCGCGCAGATACAGTAGTGACGAAGTAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTG
TCTGTTGGAGCGAGCGAAGCAGCTAAAAATCTTTACTAAAAAGAGGAAAAGA

>trans_s_5374 Z82983|C.sinensis thi mRNA

GCTCCAAGAATGGGGCCAACGCTCGGGGCGATGATGATATCAGGGCAGAAGGCGGCACACTTGGCACTAAA
GTCATTGGGAGAGGCGAACAGCATTGGAGGTGAAGGAGAGATGGGAGAAAGAAAGGTTGGACTTGAAGAG
GAAGAGTTGCTACTGGCAGCGGGAGAGTCGCCGGAGGTTGCAGACGCTTAAAGTTTTTAATGGCGGGCGGA
TGTTGATTTGGAAGAAATATTTGCTTTTGGGTTTTATGGTGCTGTTTGTGTTGTAGTGAGTTTTCAGTAAAC
GAAAAGGGGGGTTGGTTGTGTTAGGCTTTTTTGTAGGCCATTGGATCTAAATGGGT

>trans_s_5375 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

AACCGGAGCTGGGGCCTTTGGAGTCAAAATCATGACATGAAACCGGTTAAAACTCCACCATAACCCAATGCA
AATCGAATGCACTAGTAAATCACATGGATCTAGGAACGACTTACTGTATTTATTTGTGGACAAGCTAGAGTTT
GAGAAACGAAGATCTTTGGTAACTTTTATTGTAAACATTCTCAAATAGGCTTTTCTGTTGGTATACCTTATCTAG
TAAAGCACAAACTAAAGTAGTCGTCTTCTCTTCTTCAATCACTAAAAGTTCCTAAATGGAAATCCGAC
TATATGTATCCTCTCTATATAATAATTGTCGCAGCGGAGATACACGG

>trans_s_5376 GQ998075|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 ATP synthase CF1 alpha
subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

CTGTGCGGTGTCCCGCGGGGAATTCACAAAGTTCAGTCCTACTTGAGCCACAGAAGATGCTTTTTGACCAATA
GCTACATAAACACATATTACATTTTGCCTTGTTGATTGAGAATCGTATCCGTGGCTACTGCAGTTTTACCGGTC
TGCCTGTCCCAATAATTAATTCTCGCTGACCACGTCCGATAGGAATCATTGAATCAATAGCAATAAGTCCTGT
TTGAAGAGGCTCGTATACGGAACGTCTCGAAATAATACCAGGAGCGGGGATTCAATTAACCGAGAGTCAGA
AGATGAAATTTCCGCTCGGCCATCAATAAAGTTCTCATTTGAATATTTGC

>trans_s_5377 AF501624|Vitis vinifera histone H3.3 mRNA, complete cds

GATATTTGATCTTGGCACGTCATATATATAGAACACTAAACTAGATGCAAGTACCATCACAATCTCTAAATCT
AAGCCCTCTCACCCCTGATTCTTCTAGCGAGCTGAATATCCTTAGGCATAATGGTGACCCTCTTGGCATGAATG
GCACAAAGATTGGTATCCTCGAAGAGTCCAACGAGGTAAGCCTCAGCCGCCTCTTGAAGAGCCGCAACAGCG
CTACTCTGGAAGCGAAGATCAGTCTTGAAATCTTGAGCAATTTCTCTACCAATCTCTGGAATGGAAGTTTCCT
GATGAGAAGCTCTGTGCTCTTCTGGTACTTGCGGATCTCTCTCAATGCCA

>trans_s_5378 EU650386|Coffea arabica 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGCAGTCATGGTAAAATCTTGGTTTATTTAATCATTAAATCATCAGGGACTCCCAAGCACATGAATTCGCTACGT
TCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTAATCGCGATCCGAACACTTCAC
CGGACCATTCAATCGGTAGGAGCGACGGGCGGTGTGTACAAAGGGCAGGGACGTAGTCAACGCGAGCTGAT
GACTCGCGCTTACTAGGAATTCCTCGTTGAAGACCAACAATTGCAATGATCTATCCCCATCACGATGAAATTC
AAAGATTACCCGGGCCTAACGCCCAAGGCTATAGACTCGTGGTCCGCACGAC

>trans_s_5379 Novel Gene

AGCATCGTTTTTTAATCAAGGTCGTTCCGGAAGCATCAAAATTCAATTCCTCCAAATCAAATAGTAGAAAGCATT
ACAAGAGAGATCAATAAGAGAATAATAGATGAAACTACGGAAGATGAGCGGAGCCAAGTTCGGAATAATG
GACGGCTCCAGCACTCAGTCGCTTTGACTTTCTTTTTGATTGAGTCTTTATTCATTGAGGCTCCTTCGTCGAACC
TTTACATAAGCTACGCCCTTCTTCATTGACTCCTTATCAGTCGACTTTCTTCGAACCGTGAGGAGTCGAGTTATTT
CATAACCTCCTTTATCGTCTTCTGGCTGATTATTGACGTTCTCTCACCT

>trans_s_5380 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AGTTTTCCCCCCCCCGTCCAGGCGTAAATCTATGTATAAAATATGCTAAAAGATAAAATCTGATAAAGGCCCA
TCTTATTTATTAAGACAATAAACCCGTTGTTACGCTTCACATCAAAGTTAGCTATAGTACTTAATTCTTTTTTCT
TTGCTTTAATGCCTATTGGTGTTCCAAAAGTACCTTTTCGAAGTCCCGGAGAGGAAGACGCATCGTGGGTTGA
CATATACAACCGACCCGCTAGATATTGGGTCATATGGTATTTCCCCGTTCTCTCCCCGATCGAGATATCCTCT
CTTTCGCCCAAGACGGATTGATTTAATCATCGGGCTAAACCTCGCT

>trans_s_5381 GU397098|Begonia johnstonii voucher Royal Botanic Garden Edinburgh 19990653
tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

CACTTTCATAAGCATCGGTATGAGAGGATAGAGAGTCCGTTCTATTCAGAATGGATAAATGCTCCATAGATAA
TAATAAGAAATAAAATGACATTATGGAACAAAACACTGTATCGCACTATGTATCATTGATAACCCAATAAATC
CCATTATCGTATCCCAGTTCAAATCAAATTTTAAATGGAGGAATTTAAAGGATATTTAGAACTTGAGAAATCT
CGGCAACGTGACTTCTATACCCACTTATCTTTCGGGAGTATATTTAAGACGATGCCGACCAGGGATTGGCGG
ATGTTGCTTTAAGGACTCCGCCAGCACCTTATGAGAAATCAAAGTCTTT

>trans_s_5382 M88258|*Arabidopsis thaliana*

CGAAATATTCTTATTATGTTAATGTCAATTGAATTAATGTTATTAGCTGTGAATTTGAACTTTTTGGTATTTCCG
TTTCTTTGGATGATATGATGGGTCAATTATTTGCTTTATTGGTTCTAACGGTGGCAGCTGCGGAATCCGCTATT
GGGTAGCCATTTTCGTTATTACTTTCCGAGTCCGAGGGACTATTGCAGTAGAATTTCTTAATAGCATTCTAGG
TTAAACATCACTCCTAGAGAATTACCAAAATACGAAGTTCGTCGCGCCTTAGCACAAGCACTAAGTAAGCAAG
CAACCTCTTATGTAGCGCGGTTGAGGTTCAAGAAAGAGAAGAAAGA

>trans_s_5383 X80170|*O. berteriana* rpl2 gene

CGGAGTTTTAGGCGGCAAGAGACTTTAGGGCTTGTTGGAGGTGCTGAGCATAAGGAATCGAAAGCAGAGAG
GGATCAAGGTAGCTTACCTGCCAAGCCGATAGGCGAAGGGCCGAAGGATGGAGCGTGCAAAGTCAATCGTG
TACCTGTCACTTATTTTATAGCCAGTCATAAATGTTGAGCGGGCAAGATGGTGATGAATTGCGATTGGTCCAA
CCTTCGACCAGCGACTTATTGCGACCCGCCAGAATGGCCATACATACTCAGACCTTATTCACATCACACAGCG
AAGAAAGGCCGAATAGAAGGGGGCACTTATCAAGGAGGTTAACATAAAAAAAAA

>trans_s_5384 X67695|*C. sativus* mRNA for cs DnaJ-1

TCTCTACCCGATCTTCACTTCAAGATCGACCTTTTTTGTCTTCTAAGGGTTTGTTGAGATCCGATCGTCTAG
GCAAAGATGTTTGGAAGGCCAAAGAAGAGCGATAATACCAAATATTACGAGAAACATGGAGTCTCAAAGAAT
GCGTCGCAAGACGATCTAATCTTCGCTATAGAAAGGCCGCTATCAAGAACCATCTGATAAAGGTGGCGACC
CCGAAAAATTCAAGGAGTTAGCACAAGCCTACGAGGTGCTGAGTGATCCAGAGAAACGTGAGATATATGACC
AATATGGCGAGGATGCCCTCAAGGCAAGAGCCCCTCCACGGGTGGGGT

>trans_s_5385 X75799|*C. sativus* chloroplast gene for tRNA-Leu

CCCGTATCACAAAACGGGGTGGAACGTCCAGTGCCAAAGTCACTGAATGGGTAAAGTCGCAATCCCTAAAAC
GGACTATGTAATGTACTTTATCTGCTGGGTTACGGGTGGGCATTTTACCAGAGGTTTCTATTGTATCAATCTAC
CCTTGTTTAATTCCTGTTGAAGCATATACTCGGGGGGTGGGTGCAGGGCGGACGATTTCAAAGCGGACTCCCA
TTCATTAGATAGAGAAGATCGCCAAGATTTCTGATCCGCTGCCGAACCTTATTCCTTCCAATTCAACGGGCATT
CTCAACATTATGCCTTGAAGAGGACTCGAACCTCCACGCTCTTTAGACA

>trans_s_5386 DQ001751|*Rosa* hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GAGCCGGTCCGCCATAGCACTTGGGGCATGGACCGATGCGGATTGAGTGCCGCCGGACATTTGTGGCAAACA
CCGGTCGCTTCTGTAAATGCGTCACAGAACCCAGCAGCGAGAAGCCATCGAATTAGAATGTTGTTCCCATCC
GCCAGTCAGCCTTATCATTAGCCTACCTCACACTGGAGCGATTTGGTTTAGGGGGATTTTCTGGTCCGGGAAT
CCTCATCTGGTTCATGATTTCTTACTGTGTGGTTGATTTGAAACGGGTCTCTGAGGATTCAAACGAAGAAAG
GCTTACGGTGGATACCTAGGCACCCAGAGACGAGGAAGGGCGTAGTAAG

>trans_s_5387 GQ997984|*Berberidopsis corallina* voucher FLAS:M.J. Moore 326 RNA polymerase
beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TTCTTCCAATATTTTCTATTGGAGCTTCCCTCATTCTTTTATCGAACATAATGATGCGAATCGTGCTTTAATG
AGTTCTAATATGCAACGTCAAGCAGTCCCGCTTCTCGGTCCGAAAGTGCAATTGTTGGAAGTGGGTGGAAC
GCCAAGTGGCTCGAGATTCAGGGGTTGCCGCTATAGCCGAACACGGGGGAAAGATCATTTATACCGATACTG

ACAAGATCATTTTTTCGGGCAATGGATATACTCGAAGAATTCCATTAGTTATGTATCAACGTTCTAACAAAAAT
ACTTGTATGCAGCAAAAATCCCAGGTTACCAGGGTAAATGCATTA

>trans_s_5388 AY968423|Xerosicyos danguyi 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACTGCTGGCCGTCCCAAGGGGATAGGAATCCTTTCACAAAATTCTCAACTAATATTATCAACTAATCAGAATGG
TTCGTTATTAGACCATAGTATTTTATTCACCGATGCCAGGAGCGCGCAGATGCCGAAGCCCGCCAGAAGGCGC
GCGCTGCCAGCCACGATCGTGACGGCGACGTCTCGGTATGATCCATGAATATTGATATGTATATTCCATAAAA
AAGTATATTAAATTCCTAATTAATTTTTCTGATTCACCAGCTCTTATCTCTTTTCAAAGGATCAGTTAATAACAA
ATTTAAATATCCAAACGGAAATAGGGCCCCGCCCCCTCGGGAGG

>trans_s_5389 AF055707|Brassica napus ribosomal protein S4 (rps4) gene, complete cds

ACGAGAAAGAAAGGAAAAAGTCCAGTTGAGCAAGAACTTGGGCGAAATGGGGTTCTACCGGGAAACCATAG
ATTTTTGAGTTTTCGCCATTGCTTACTGGTCAAGCCACTGGAATGGAATAAGATAAGAATCTCTGGAGATCTTT
CCTCTCCACTTAAGATTAATCGTAACAGGCTTTCCTCCGTAGAAGACTGATTCCGAATGGCATAATTGTCCTTT
TCCTCGATCTTCAAAGAAGACTGACTTATCCTACTCCTCTCTCTCCTTCATCCTCGTTGGTCCTTCCTTCGTA
GTGGGAATTGTATAGTGAAAAAGCTCACCCCTCTCTTTAGACGA

>trans_s_5390 NM_114701|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT3G48420) mRNA, complete cds

GAAGATTTTCTAAATGCAGATGCAGTTTTTGA CTGATTGGAGACCCCCAGAAAGAGCGTTTTGATTTGGCATT
CTGTGGAAGCCTTCTTGAGAAGCAGTATGTCAGCTAAAGCATGCAAGCACCAATGTTTCATGTACTGAAGCCC
GAGCGAACGTTGCACTTCTTAAC TTTTGTGAATTCAAAATATAGAGATGTCAGGTCATGCTTCTTGACTTAGAT
CTTTGTATTTAAATGTTATATATGTACGCCAATTTGTTGATATATCAAATGTTTTGCTCTTGTAAC CAGGACAA
GAGCGATTTCATTATATTTGAATTCTCGTACTTGACATGTGACG

>trans_s_5391 Novel Gene

CTCCAGTGTGGCATTAACTGGGTGGGTCCCGGTGACGTTCTTGAAAATGAGTAAAAATCATCAAGCATAACTA
AATAACTTTTCAAGGATAAGTAACACCAGAAGCTCCACCGACACCGCCACCGAGACCACCACCGAGTCCACCA
CCGAGTCCACCGCCGAGACCACCGCCGAGGCCACCGAGTGGTTCACCAATGCCACCCAATCCACCTCCAGTAC
CTCCAGTCCACCTAGTCCTCCACCAATTCCCGTAGCGCCACCGAGGCCACCACCAAGACCGCCACCAAGGCCT
CCTCCTCCAATGGCACCCCCACACCACCAAACGGGAGGCTATTACT

>trans_s_5392 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

CGCCACGGGAGTGGAAGGGCCGTGCGCTCAACGGATAAAAGTTACTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCC
AGAGATCTCATTCTAGTTATTGACTTGAGAAGAAACAGAGAAGATTAGAAAAACAATCAAATATCTTTGACTA
ATCCCTTCCCCCTTCTTTTTTTTAGAGTTTTTAGACTTAGAATAAGTTAGAAAGAATCAAATGGATTCAACCT
CAGTCAAACCTCGGACGCGGCCAGGTTCAAAAATTTAATAAAAGAGTGAGAACGAAAATGAAAATGTGA
TGGCTAGGGCAACAATATGTATGTTTTACAGGCCCGTCCCCAACATG

>trans_s_5393 EF595936|Cucumis melo isolate 2007-B29 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence;
chloroplast

CAGCGATCCCTATACAAGAGGAGATTATAACAATCTTTCAGTTATTTATTTTCGTTCCCTATTTCTATTTAATATA
ATCCTTAGGAAAAGTATTTTGTTCGCGGAGCTAAAAAACGATGTCGACGTCTCTAGTAAACCAAAGACATT

GTTTAATAGCTATTTTGTTCCTCAATCTCCCTTATACAAAGGGGGGCTGAAGATTTAGTTACGATTAGAA
AAAATTCCACCTTTATCCATGGATCCCTTATTCCTTCCCCGACTGCTTGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCT
GTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATAGG

>trans_s_5394 GQ998380|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 6 protein (ndhG) gene, complete cds; chloroplast

TTGTACAAGTATTTTGTTCCTCAATGACTACTATATGTAGATACGTCATGGTATGGGATTATTTGGACTACAA
GATCAAATCAGATTCTAGAGCAAGATTTAATAAGTAATAGTCAACAAATTGGAATTTATTTATCAACATATTTT
TTTCTTCCATTTGAACTCATTTTCGATCATTCTTTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCAGTAAT
AAATCTTTAGTTAGAAATAGCATAATTTAACTTTGTTGTAGTGGTAAGAAGAGGGGCTCTCGACGCGACCCCA
GGTCAGGCGGGACTACCCGCTGAGTTTAAGCATATCATAT

>trans_s_5395 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

AAACATCAATTTGTCTTTGGGTATAGACGGTATCTCTTTATTCTTCGTGATATTGACCACATTTCTGATCCCTATT
TGCATTTTAGTGGGTGGTCTGGTATGAGAAGTTATGGGAAAGAGTATATTATAGCATTTCTAATTTGTTTCATT
TTTAATGATCGCCGTGTTCTGCATGCTGGATCTTCTACTATTCTATGTTTTTTTCGAAAGCGTGCTAATCCCTAT
GTTGTGCGGAGCTGAGCATCTTCTATTCGCTGGGATCAAGCTTTTCTCTGCAGGGGCCTTGTGCAGTAAACC
CCCTACCCCGCCAGCAATGATGACAGTTGTAACCCCCC

>trans_s_5396 J01446|Tobacco chloroplast 23S and 4.5S rRNA genes

AGTCCCTGCTTTCAGCCGGAATCACTAGGGAGCCACAAAAGACAAGGAAATTACCGCTCAACGGATAAAAGT
TACTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTGGCACCTCGATGTCGGC
TCTTCGCCACCTGGGGCTGTAGTATGTTCCAAGGGTTGGGCTGTTGCCCCATTAAAGCGGTACGTGAGCTGGG
TTCAGAACGTCGTGAGACAGTTCCGTCCATATCCGGTGTGGGCGTTAGAGCATTGAGAGGACCTTCCCTAGT
ACGAGAGGACCGGGAAGGACGCACCTCTGTGTGCAACTGTATCGTG

>trans_s_5397 XM_002874105|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L13, mRNA

AGCTAATGTACAGAGGTTGAAGACCTATAAGGCCAAGGTGGTCGTCTTCCACGACGTGCCCCGCAAGTTCAA
GGCTGGTGATTCTACTCCCGAGGAAGTCAAGTCCCAAGGCTCTTACATGCCTATTGGATTA
GAGAAGCCATCAGTAGAGCTTGTGAAGATTACAGAAGACATGAAGTCTTCAAGGCTTATGACAAGCTCCGT
GTTGAGCGAGCAAATGCCCCTCATGTGCGTGCTCGGTTGAAGAAGGCTGCTGAGGCAGAGAAGGAAGAGAA
GAAGTAAATGGTTCCAAGATTTTAACTTGTGCGCCCATATGTTTTTGAG

>trans_s_5398 FR695543|Salix caprea chloroplast petG gene (partial), petG-trnP IGS, tRNA-Trp
gene and tRNA-Pro gene (partial)

GATCGTGCCGAACCTCTAATTCCTATTACTTTGGCTGGATTATTTGTGACCGCATATTTACAATACAGACGGGGG
GATCAGTTGGACCTTTGATTAATTAACAGTTCTTTTTTTGATTGACCCCTACTTGCTTTATAGGAGGTAAAT
TTTGATTTCTGTTGAATTATTTCAGTATCATTTTGATTTAACAACAACAAGAATCGAATCACGCTCTATAGGATT
TGAACCTACGACGCTAAACCCCAAGAGCCCGGTTCTACCGAACTGAACTAAGAGCGTTTTATTATCAAATA
AAAGCAACCCGAATATATCTTCGATACAGCGCGATACAGC

>trans_s_5399 GQ997482|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333
NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 6 protein (ndhG) gene, complete cds; chloroplast

TTGTACAAGTATTTTTGTTTCACTAATGACTACTATATGTAGATACGTCATGGTATGGGATTATTTGGACTACAA
GATCAAATCAGATTCTAGAGCAAGATTTAATTCATTATCACAACAAATAACCTTAATATTTATCAACATATTTTT
TTCTTCCATTTGAACTCATTTGATCATTCTTTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCAGTAAT
AAATCTTTAGTTAGAAATAGCATAATTTAACTTTGTTGTATGTTATCACACACATTCCCCTTCGCGACCCCAGT
GACTATAAACAGCAAATAGTCTGGGCTACGCGACGC

>trans_s_5400 FR695543|*Salix caprea* chloroplast petG gene (partial), petG-trnP IGS, tRNA-Trp
gene and tRNA-Pro gene (partial)

ACAGATTAAGGATATTACTTTGGCTGGATTATTTGTGACCGCATATTTACAATACAGACGGGGGGATCAGTTG
GACCTTTGATTAATTAACAGTTCTTTTTTTTGATTGACCCCTACTTGCTTTATAGGAGGTAAAATTTTGATTCT
GTTGAATTATTTAGTATCATTTTGATTTAACAACAACAAGAATCGAATCACGCTCTATAGGATTTGAACCTAC
GACGCTAAACCCCAAGAGTTTATACCTCGTTAGGTCAGGTCGGGGTATAGCGTGACGCCAGGCAGACGTGC
CCTCGGCCAGAAGGCTCCGGGCGCAACTTGCGTTCAAAGACT

>trans_s_5401 AJ272306|*Lycopersicon esculentum* lin5 gene for beta fructosidase and lin7 for
sucrose hydrolysis

TGAGAACTTTGAAGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTCTTTGCGCAGCCCTTAAGATCGCCTTCCTCTGTGTGAAAT
GGAAGCGTCTCGAGTCATAGCTGCGCTACAGCGAATACTCTTTTCGGAGAATTCCACCAGGGTTTTCTTTTGG
AATTCTCTTCGTTTCCCACTTGATCTCGATCTCGAGGCATTTGTTATCCGCCTTTGGATCTCCTACTGGTTGTCTG
AAACTCCAACGATTTGGCTTTTCTGCTCATTCGTTAGTTTATTTTCAGACAAGTTGAGGTTGAGATCCTTATGGA
TGTTGTCTATGCCTCACTCTACGGTGGGTACACCCCC

>trans_s_5402 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

CAGGGACGCCTACGATTGCGATAAATCGGCATTCAGGCGAGCCACCCGGTGGTGTGGTACGAAGTGGGTTTA
GTACGCCCTGCCAAAACGGGTCTCACTATAGTGAAAGGTGCGTGCCGCACTCACGAGGGACTGCCAGTGAG
ATACTGGAGGAAGGTGGGGATGACGTCAAGTCCGCATGGCCCTTATGGGCTGGGCCACACACGTGCTACAAT
GGCAATGACAATGGGAAGCAAGGCTGTAAGGCGGAGCGAATCCGGAGCTCATTAAATCAGTTATAGTTTGTT
TGATGGTATCTGCTACTCGGATAACCGTAGTAATTCTAGAGCTAATAT

>trans_s_5403 NM_105228|*Arabidopsis thaliana* calcium-binding EF hand family protein
(AT1G65540) mRNA, complete cds

GAGACTGTTTTCGATGTTGTATAGAGTACAATTGTCTATGTAGTTCATATCATTGGATAACTGATCGAAATCGT
TGCAGATCATTGCATTGTCTTCAAGGACTTGAAAATTCATTTCCCGAGCATCTAATGGCGGTATTGGCATCCGC
ATCGACGACATCGGAGCCTCTCCAGAATGTTGGAAATGTGTTGCTCATCATTACAGATGTATTCCAGCATGTT
TTCAACTCCATCTAGCACAGCCTTACTTTTTTTGGTGATTGTATGTTCCCTAGTTTGATCCACATTGAATTCTTCA
ATTACATTCTTGAGTCCACTGCTGCATAAACTTCCGGT

>trans_s_5404 AJ428413|*Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

AAACTTTCATAAGCATCGGTATGAATATCCGCGTCCTATCATGGATACAAGTTATGCCTTGGAATGAAAGACA
ATTCCGAATTAGCTTTGTCTACGAACAAGGAAGCTATAAGTAATGCAACTATGAATCTCATGGAGAGTTTCAT
CCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGCTTAACACATGCAAGTCGGACGGGAAGTGGTGGGAGCTAGGC
AGAAGGAAAAGAGGCTCAACGCTTTGTCTCGCCTTTCAAGGTGGGAAGAGTTGAGAACAAAGTGGCGAACG
GGTGCGTAACGCGTGGGAATCTGTATCCACTGGTAAATTGGGCAAGTC

>trans_s_5405 AJ506156|Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

CCGGAGTGTTAGTGATCGGTTATACGAAAAGAGAGTACGGAAAAGGAGAGATTCTGGGGAATATTCTGGTGT
CCTAGGCGTAGAGGAACCAACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCGAAACAAACGAAAACGAAAC
GAAAGACGAAACATAAATCATGGATCAACTAAGCCAAGCCCTCTCGGGGACTTGCTTAAGAATAAGAAAGAG
GAATCTCATGTAAATACCATGGAATAAGGTTTGATCCTATTCATGGGGATTCCGTAAATATTCCATTCCATAAA
GAGAAAGTTCGAAACAAGTGGGAAAAAAAACCTCTAACAGCCGTC

>trans_s_5406 FJ422345|Alchemilla mollis external transcribed spacer and 18S ribosomal RNA
gene, partial sequence

CAGGATACTATACTCCCGTTGGCCCCCTTCTGTGACACCCATCTTTGGGTGGACAACGAACCCGATAGCCCGC
ATCGCGTTCGCCTTGACATCTTCGGTTGTCATTGCGGGCCGCTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTG
CATTCGGTGGCATGATAAGTCCCTCGAAACGTGTTGCCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCC
GTATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGCATGCATGCGGGGAAAAAGGAAAAACGAGAACACTACCTGGTTG
ATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGCTCAAAGATTAAGCCAT

>trans_s_5407 FJ529181|Brassica napus elongation factor 1 alpha (EF1alpha.2) mRNA, complete
cds

ATTCTCTTAGAGTGACATTTGAGCTAAATACACCTGTAACTCATTGCTTTAGAAATACCAGCTTCAAAAC
CTCCGGTAGTGAGTCAATGATAAGGACAGCACAATCAGCCTGAGAAGTCCAGTAATCATGTTCTTGATGAA
ATCACGATGCCAGGAGCATCACGCACAGTGCAGTAGTACTTGGTGGTTTCGAACTTCACAAAGCAATATCA
ATTGTGATACCACGCTCACGTTACGCCTTAAGCTTATCCAACGCTGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAG
CATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTTTGT

>trans_s_5408 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

GCACTCAAAGGAAAGTCTAAAGTATGTAGGTTTCTGCTTTTAGCCCACTATTTTTTGGTAGTTCGATCGTGGA
ATTTATTTTTTTCTGTATTTCCGGAATATGAGTAACTGTGCGTCGGTCTTAAGTACTAGGATACCTATGCTGTCTT
CTTCAGCCAGATCTTGATGAAGATGATTTTATCTCGTTGGATATTCAGTCTAGGCTAGTATCTGGAGCACAGAA
TATATGAAATAGATTCCAAAATATTAGAACAAATATTAGAATGATTCATACTTATCAGACCTCGTGGCCGG
ACTCCGAAACTTCTCGGCTGTCCATAAATGCGTGGCC

>trans_s_5409 AB237370|Acer rufrinerve chloroplast rps16 gene, partial sequence, isolate:
AURIH2039

AAAGGCCCGGGGGGGGAGGGGGGAAAAAAAACCTATTCTTATCCCATAACTCAAGTTGGATAACTCTCAC
GCAAAGGAAAAAAACCTTAAGCTTAAGACGGGACCCCTATGAGCGGTCTTAACCTCTTTATTTTTGCCTGTC
TCCGTTAGAATCTATTTGATTCTTATTCTGATCTAGTTAGTTATTGAGACAATTGAAAAAGATTTTACTTGT
TCCGGGATCCTTTATCCTTTCCTGAATCATTAGGTTTAGACATTACTTCGGGGAGGGGCTTCATCCAGGGCGT
AGGCATTTTTAGTCACTTTCACCGGCTGTTAGAGGCTC

>trans_s_5410 DQ673257|Jasminum leratii psaA-psbB fragment, chloroplast

AAAATACTAAATAATAGTACGAATTATCTTATCCCATTCGGAAGGATATCATCTCATAATTATCTATGACTGTTT
CTGAGAGATCGTGCTGGTGAAGTAAAGTGGGGAGGGGAAGTGGGACAAATGGCCGAGACTACTGGAAGGA
TTCCTCTTTGGATAATCGGTACTGTAAGTGGTATTCTTGTGATCGGTTTAGTTGGTATTTCTTTTATGGTTCATA

TTCCGGCTTAGGTTTCATCTCTGTAATAATCGGATGAACTGAGTTGGAGACATGAAAGCGTAAGAACTCAACAG
GATCCCCCTCAAATCAGAGGTTTCCTCCTTTGCAGACGACT

>trans_s_5411 U37839|Lycopersicon esculentum lipoxygenase (loxC) mRNA, complete cds

GGTAAGTGTAAACAAGCCTTATGCTGTACGGGTTGAGACCTGCAAGTGTCTGTCTAGCAAATTCCTCATCTCTAA
ACCAAAAGAATTTGTCCTTATCAAATGTTTCAGGAGGAACGAAACGCAAGAAATCCTCAGCCCTATCAACAAC
AGAGTCAATAAGCCTTGGAAGGGCAGTAGCGATCTGCTTCCAACCGCCTTTGGCAGCAGGCAATGGAAGTCC
ATTATCATAAAGATCATCTATTGCAGGGAAATGTGGGAAACGTATATCAGTGTCTAGTAGAAACCGACTCCAAA
GCCGGTATTAGCCCCCTTAGCAACGAGTTCAGTGTCTTCACA

>trans_s_5412 AY260021|Hydrostachys multifida 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AGTGGGTGGACACACCCAAGTAAAGAAAAAATAATGCCTACAGTAGAAGGACTAATCAGTTAGTTATTT
CTTTCGCTACTTTGGGTGCATTGGCGCCGATGTCAGCAACGTACGGGTGTAACGTTGTCCAAACAATATTC
AGAGTTCCTAGAGCTCCTTGTAAGGCTTGTTTTCTCTCTCAGCTATCCTGAGGGAACTTCGGAGGGGAACCA
GCTACTAGACGGTTCGATTAGTCTTTCGCCCTATACCAAGTCAGACGAACGATTTGCACAGGACCGCTACG
GACCTCCACCAGAGTTTCCTCTGGCTTCGCCCTGCCAGGCA

>trans_s_5413 Novel Gene

GAAGGCTATGCTCGGGCGTGTGGTCGACATTCCAAAGAGCACCCATTGATGGAAGAGGGGCTCTCAGCGATC
ACGAGCGAAGACGTGTGCAAGTGAAAGCCCCTGGGATTATTGAACGTAAATCAGTGCACGAGCCTATGCAAA
CAGGGTTAAAAGCGGTGGATAGCCTGGTTCCTATAGGCCGGGGCCAACGAGAAGTATAATCGGGGACCGA
CAAAGTGGAAAACTGCTATAGCTATCGATACCATATTAACCAAAAGCAAATGAACGAAAGGGCCACCTCTG
GGAGTGGGTAGATAAAAGGTGACGCGGGCTCTGCCCCGTGTAGAC

>trans_s_5414 AB443616|Camellia pitardii var. pitardii chloroplast DNA, atpI-atpH spacer region,
specimen_voucher: NIFS No. 1218

AAAAAATTACATGAACTTAGATTAATAAAATATTGATATTTCTATGCAAGGATTCGGACTAATGAATTCGTTC
ATTTAGATTGATTGTCTCCATGTGGGATAATTCTAAAAAGAAAGGGTTTCCAAAAACGAGAAAAAGGATTG
GGTAGGGTAGAGTAGAGGAGAGTGGAGTCAACTAGATGTATTGAATCGAATTGCTATAAGACAACCCTTGTG
GATATTTTGAAGAATGATTCTCAAATTCGATGGAATCCAAGATATGAATAATTGGTTTACGTTAGGGAAGAAA
CACATGTATATGTTATATTAGACCGATCCCAGAGTGGAATTA

>trans_s_5415 AF030515|Canavalia lineata chaperonin 60 alpha subunit mRNA, nuclear gene
encoding chloroplast protein, complete cds

CTCCCACTCCGACTTACGACCTCTGTTGCCTGAACATGGCGTCTGCCAATGCTCTTTCTCCGCTTCTATTCTAT
GTTCTTCTCACAAGAGCTTGAGAAAGGTGAATCAAACGCAGAACACAGAGTAAATTACAGACAGGCTGGTA
GTAGATTTGTTGTGAGAGCCACTGCAAAGGAGATAGCATTCGACCAGAGTTCTAGAACTGCACTTCAGTCTGG
GATTGATAAGCTTGCTAATGCAGTTGGTTTGACTCTTGGACCTAGGGGGAGGAATGTGGTGTGGATGAGTTT
GGTAGCCCCAAAGTGGTAAATGATGGTGTGACAATTGCT

>trans_s_5416 AJ579711|Beta vulgaris mRNA for chloroplast chlorophyll a/b binding protein (cab11
gene)

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACAGGAAGCTGCAAGAGCCAAATTCATGTCATTTAAAGAACAACAT
CCAAGCTACAATGACAAGCCCCTCCACCTTCTGTACACTGATATCCACTATGTTGTTGCATATTACAAATTCCA
TTAGCAACACCACACTCCAAAAACATACTCTCGAAAGAATCTCAGTTCATATCAACCATTTTACTCTTAATACA
ACAACAACAACAACCTTCCAAACAAACCAAACTTAGTTGCCACCAATGTCTGGACAATGGTGTGTGCCATG
GGTCTGAGATGTGTTGCAAAAGATTGTCAAAT

>trans_s_5417 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AATTATTTGTGGAAACATATAAATTGGTAGAACCATTGATAAAAGAAAGAGATGCTGTATATGAATCACTCAC
ATATTCTTCTGAATTATACGTATCCGCAGGATTAATTTGGAAAACCCGTAGGGATATGCAAGAACAACAATTT
TGATTGGAAACATTCTCTAATGAATTCCTGGGAACTTTTATAGTAAATGGACTATACAGAATTGTCATCAGT
CAAATATTGCAAAGCCCCGGTATCTATTACCGGTCAGAATTGGACCATAACGGAATTCGGTCTATACCGGCA
CCATGGCGCTCAGCCAAAAGAAGGAGCCGAGCGGTCTC

>trans_s_5418 AF175761|Gossypium hirsutum tRNA-Ala (trnA) gene, complete sequence;
chloroplast gene for chloroplast product

CATGAACGGCCGATCCCCTTCTCCTCAAGTTGGCCCTTGCGAACAGCTTGATGCACTATCTCCCTTCAACCCTT
TGAGCGAAATGCGGCAAAAGGAAGGAAAATCCATGGACCGACCCCATCGTCTCCACCCCGTAGGAACTACGA
GATACCCCAAGGACGCCTTCGGTATCCAGGGGTCGCGGACCGACACGCTCCAAAGTGGACATAAGTGGAAC
GCATTAGCTGTCCGCTCTCCGGTTGGGCAGTAAGGGTCGGAGAAGGGCAATCACTCATTCTTAAAACCAGCAT
TCTTAAGACCAGAGAGATAAAGACTTCTGGGAAAGGAAC

>trans_s_5419 Z14078|T.aestivum mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

CGATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGATTGTTGTGTTGCATCCTGTTTGG
GCTGCATAAAGTAACCCCATTTGAAGACAGCGCTGTCCAGGTGCGTGCCGCACTCACGAGGGACTGCCAGTG
AGATACTGGAGGAAGGTGGGGATGACGTCAAGTCGCATGGCCCTTATGGGCTGGGCCACACACGTGCTACA
ATGGCAATGACAATGGGAAGCAAGGCTGTAAGGCGGAGCGAATCCGGAAAGATTGCCTCAGTTCGGATTGTT
CTCTGCAACTCGGGAACATGAAGTTTGGCATCATTAAAGCGA

>trans_s_5420 NM_001064929|Oryza sativa Japonica Group Os06g0684000 (Os06g0684000)
mRNA, complete cds

GGGTCACAGCACTCAATGGCTCTGGTATTCTGTATATGCAAGCAAGCAAGTCAGCTGGCGCACAAGATATCTA
GTGGTATCAGATTGGACAAGAAAGTTTATATTTGGAAGAGATTTCGAGCCGCATCTGAAGCTAACCACCATCTT
TTCTTAGGGTTTAGAGTTTAGTGTGTTGGCTGGCTACAACAAAGATCTCATATGGTATAGATATCAAAATTTACAT
TCCCGACTCTCTCGAAACATACTATCATTGTTTCATCACCTTCTGTGTGTAACAAATTATCTTTGTATTTATTAT
TTTCGACCACCTGCAAAAAAAAAAAGAGTTAATTGT

>trans_s_5421 AY727970|Enkianthus campanulatus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGTGAACGTGTACCCAATCAGCTAGGATTCTCACCCCTTTGGGGTGACTCATTATATGACAGCGCGAACTTC
GAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACGTAAGGGATTCCGGAGAC
GTCGGCGGGGGCCTCGGGAAGAGTTATCTTTTCTGTTTAACAGCCTGCCACCCTGGAAACGGCTCAGCCGGA
GGTAGGGTCCAGTGGCTGGAAGAGCACCGCACGTCGCGTGGTGTCCGGTGCGCCCCCGCGGCCCTTGGGG
GCCCCGAGGACCGAGTGCCTCTCACGCCCGGTCGTACTCAT

>trans_s_5422 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

GATTTGGTCCCCAGTGTAGATCAGCCGTGGAAAAAAGGAAAAGGCTAACTCATGGTGTGCGGTAGTAGTGGC
TCGATGTAGATGGCAAATCGCTGTTACTGCAAGAGCGGCGGAGACGATTTTCTGCCGAGTTCCTTAGAGAG
AGTTGTCTCGCGCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCTGTGTGCGTTTCGTTTCTGGTGGAACTTTAGGCGG
TTCGCGAAAAAAGATAGCGAAAAAAATTATTCTAGAGTCGAGACTAAGAGGAATGTATAAACCAATGCTTCC
ATAGATTTGATTTGCGTTTACAATTATAGCTTCCATTCT

>trans_s_5423 Novel Gene

TAAGTTAAATTCACCTATCCATAGAAACAACACGAAAGAACATAGACATAGTGGTTGTCCAATGAGATACTAC
GCATAATAATACTACCTCATAATAAGATAGTACCTCGGGGTAGCCACCCACATATTACGTGCTTACCACTTC
TTTTATTATTATTATTAGTATTTTAGTTATTTTCAAATAGGATTTTTCTTGTTTTAGGGAACCTATTCATATC
ATGCTTCAAACGTTACCGCCCCGTTTTGGGTAGCCGGAGGGGATAAATCCGAAGATAAAAAAGTCCCATGGA
ACCGAACTCCTGGATCATCTGTCAACTGCTCAA

>trans_s_5424 Novel Gene

GACCTTGACCCCTGTTATTTTGAGATCATATCTAGTATTCAGAGTTTGCCTCGAGTCGCGCTGGCACCTCACTC
GGCTCCTCGGCGAACTTCGTTGCAAAGACTTGATCCTTAGGCGCATGTCTCAGCAACACAAAACGAGGGTTT
CGCTCGTTATAGGACTTGACCAAACATCTCACGACACGAGCTGACGACAGCCATGCAGCACCTGTATGAAATT
ACCATCCCGTTAAGGACAGTTTTCTTGTTTCATATGTCAAGGGCTGGTAAGGTTTTGCGCGTAGTATCGAATTA
AACCACATGCTCCACCGCTTGTGCAGGCCCCCGTC

>trans_s_5425 AY173934|Cucumis sativus ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast
gene for chloroplast product

AGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAAAGTACCTCGGATTTTTCCCTCCGC
CTCGGGTGTCTCGCGATCCCTTCTACAGCTTGGCCCGCAGCAGTACCTTGACCAATCCAGGTCCAATAGAAG
CAAGCCCGACGGCCAACCCAGCAGCAATAACGGAAGCGGCAGAAATCAGTGGATTCATGATAAGTTCCTCAC
ACCAAAAGAAAGAAATGGTTAATGATACAATCAACCAATGAATTATAACTTATTATTCCATCACTAAGATTTAT
CCAATGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAAT

>trans_s_5426 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

AAGGGCTTTGGTTTTGTGCAATTTGACACCGAGGAAGCTGCCTTAAAAGCTATAGAAAAGTTGAATGGTATGC
TGCTAAATGACAAGCAGGTGTTTGTGGGACCTTTCCTTCGCAAGCAAGAAAGAGAAAAGTGTGAGCGAGAAAA
CAAAATTCAATAACGTTTTTGTCAAGAATCTAGCAGAACTACCTCTGAAGAAGATTTGAAAAATATGTTTGG
GGAGTTCGGACCAATCACCAGTGTGTTGGTGATGAGGGATGGAGAAGGAAAAATCAAATGCTTTGGCTTTGT
AAATTTTGAGAATGCGGATGATGCCGCCAGATCTGTTGT

>trans_s_5427 FJ514803|Trithuria filamentosa photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem
II CP43 protein (psbC) genes, partial cds; chloroplast

TTGGCCCCTGAACCTACGTGCCTATGACTTCGTTTCTCAGGAAATCCGTGCAGCGGAAGATCCTGAATTTGAG
ACTTTCTATACCAAAAATATTCTCTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCATGA
AAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCCCGTGAAACGCTCTTTAATGGAACCTTTAGCTTTAGCTGGTCGT
GACCACTCCCAACAATTGGGATAGGTTGTTTAATTTCCGTAAATCAGGCTCAATTTGAAACAACGACTCTCGGC
AACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAAC

>trans_s_5428 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

ACTCAGAGACTCGCGAGACCCACGGAGCGGTTCTGAAGAAGATCGACTTCAGTCAATGAACAAAGCCTCGTC
TTTCTTTTTCTGAAAACCCCAATCCGCTCTCGCTCGCCGCTACTAACGGGGTCTCGGTTGATTTCCCTTCCTTTA
GCTACTAAGATGTTTCAGTTCGCTAAGTTTGAAAAGTCCAAAGAGCGCAGACTAGCCACGGAGCTTGGATACG
GTTTCCCGATCGGAGATCCATGGATCACAGACGAGATCTCCCCATGGCCTTTCGCCTCTGAAAGCGTCCTTCCT
TCTCAATGCCCCGGGACCATCCCAATGCATTCT

>trans_s_5429 Novel Gene

TGATATGCTTAAACTCAGCGGGTAGTCCCGCCTGACCTGGGGTTCGCGTCGAGACCAATCCTCTTGAGAAAACA
AGAAATTGGTTATTGCTCCTTTACTTTCAAGAACTCGTATACACTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATG
GAACTTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGGGAAGTTGTGAGCATTACGTTTATGAATAAATACCCTAATAAGATG
ATAATAGTAACCTAAGCAGTTCAGTGGATAGTCGGACTCGGGAAAGCCTATAATATAAGAAGAAGACAAGTC
CCCACGTCTTTGATTTGAGTCGCTCCGCTTCGCGCC

>trans_s_5430 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

CCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGG
CTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTTCTGGGTCGTCTCAACCCTTGCATGGGGCTTTTCGGGGGTTTTT
ATAACCACTCCCCTACATCCAAAGGATTTACTTGTTACTAATAGAGTCTAGCCTATGTTCTTCTTTAGATCCCTT
GTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGAATGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTG
AAATAGATAAAACATAATCTGTATTATGGCA

>trans_s_5431 GQ435576|Siraitia grosvenorii voucher PS0464MT02 Ycf5 (ycf5) gene, partial cds;
chloroplast

TTGGTTAAATGGTTTTATATTTTTTAAATAAGCAAATAGATGAATAATGGATAAAGCCCATGAAAGAAATAG
TAATGATTCATATAAATCACTTAATGGTAAATGCCTCAAATAAATCCAACGAGTAACTAATAATCCTGTTATAC
AGAAAAAAGTAACTATCATGCCCTTTTCTGACGAAACATAGAGTCCTACGGTTTCATTGATTAATAAGGTTATT
AACTGAATTGTAATGACAATTGAAATGACCGAAAAAGATATATGAGTTAATATATGCTCGAAAGTTAAAAATA
TCATAAAAAAATAAATTTAAAGGTCCCACAATT

>trans_s_5432 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

AGGAAAGTCTAAAGTATGTAGGTTTCTGCTTTTTAGCCCACTATTTTTTGGTAGTTCGATCGTGGAATTTATTTT
TTTCTGTATTTCCGGAATATGAGTAAAGTGTATGATAGAATTGATCCTATGGATACGACAGAGAAGAAGTCGG
TCATCTTGATGAAGATGATTTTATCTCGTTGGATATTCAGTCTAGGCTAGTATCTGGAGCACAGACGCGCGTCC
CGCTCGGAACCCCGCGGCTCCACCCGCGGCTCCAATCCCACCGAGCGATTGGTAGAAATCTTTTGCAGACGAC
TTAATATGCGACACCCCGCGGTGCTGTGGAGTA

>trans_s_5433 GQ998602|Plumbago auriculata voucher FLAS:M.J. Moore 306 cytochrome b6
protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

AACGAGTCAAGGTAGATTGTCCCACTAGCACTTCCGCGTAATAACTCTACCAAAGGCGACCCTATTACTGG
AATAGCTTCCGGTACACCTGTTACAATTTTGAAGTCCCAATAACCAATTTGGTCCCAAGGTAAGGAATAACCAG
TTACACCAAAGGATGCGGTCAATACAGCCAGAACCCACACCTGTAACCCAAGTCAATTCACGAGGTTTTTTAA
TCCACCAGTAAGATACACGCGAAATACACATGAAAAAACGGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCCT
CTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGCT

>trans_s_5434 AP009374|*Lepidium virginicum* chloroplast DNA, complete sequence

AACGACATCTCTTATCTCAATGACACAACAGGGATATTAAATGAATGGAATTGGGATATGGATGGAATATAAT
GAAATAGAGCCACTTTGAGGTTCTCTATGAAATGAGGCATGGAACGGAGCCACTACGAAGAAGTTCCGGGAG
TTACGAAGGAAACCTCGAGCTCATATTGGTCATGGGTTGAGAACGGGAATTGAATTCTCTGAGACCTAATTTA
CCGTTGTTCTCAGTAGCTCAGTGGTAGAGCGGTCGGCTGTTAACCGATTGGTATGCTTCCTAGGCGTAGAGG
AACCACACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAAAC

>trans_s_5435 GU784916|*Volvox carteri* f. *nagariensis* male mating type locus, complete sequence

CGAGCAAGAAGCAAAATGGCGGAGGTTTTAGCCGGAGTATCTCAGGCGTCTTTATTTTTCCGACCACGACTCG
GTGGAACCTCTCAGGAGCAACAAATTTTCCGTTAAACGCCTTCAATTTCAATCCACAATCGGTAGAGGAATTTCC
TTTGATTGTAAGACGGTAGTATCTGCTATCCGTGCAACTGACTCCAAAAATGAAGACATTGACATTTATCCAGA
CACCCTGGCGGTGATTCTTCCGATAAAGGGATTGGAGGAGGTGGTAGCGGTGGAGGTGACGGTGGTAGAG
GCGATAATGAGGGGAATAGTGGGGAGGGAGAGGAA

>trans_s_5436 HM363086|*Chasmanthium latifolium* photosystem II protein I (psbI) gene, complete cds; chloroplast

ACGCTTTAAGCTACGTCCCGGGTCATTAGATAGGAATCCGAAAATGAAGAGAGAAACAAAGAATATTACTACT
GTATAAACAAATAGTTGTAACTATCCCGATAGAACCCTACTCTGCAAGCTGGGCCAACCTCCAACCACATATT
TGCCCCCGTTTGAGTTACAAGCTCACACTACCGAGCTCGGCCCATCAAACAAACTATAACTGATTTAATGAGCC
ATTGCGAGTTTCACAGTCTGAACCGAAACATCCCACTGTTCCAAGAAGAGGAAGGAGGAGATTCGGAGAGCC
CTTTTCTCCCGCACACGCTCCTGGCGCGTACGT

>trans_s_5437 NM_001064650|*Oryza sativa* Japonica Group Os06g0625800 (Os06g0625800)
mRNA, complete cds

CAAGTCAAGCTCCTAACTAGTGAAACAGGAACCTTGCTACTTTCCAGCATTGGTTGATTTGGTAATGTTTGAG
AATCCGATATTTCTAATGTTTTACAGCCAGGCTCTTGGGTTGAAGCAGCATTACCATTGCTGTGGGATTGCA
GATGTGTTTGCATCAATTAGATTGGGAGAAGTAGAACTGAGACAACCAAGCCTCTGTCAACAGGGTTGATAT
CTGTATGATCTGCATTGGCCAAAGAGCTTTCAGAACAGTAACATGTAAGTTACCGTTCATACGTCTGGGTAAT
GTAGGTAAATTTACTGCTGGACTTGACTTTG

>trans_s_5438 DQ340766|*Camellia sinensis* alpha tubulin 1 (Tua1) mRNA, complete cds

CAGGCGCTCCCTCGACATTGAGCGACCCAACCTACTCGAACCTCAACCGTCTTGTATCTCAGGTCATTTCTCTTT
AACTGCCAGTTTGAGGTTTGATGGTGCATTGAACGTGGATGTTAACGAATTCCAGACCAACTTGGTCCCATAT
CCCAGAATCCACTTCATGCTTTCTCTTATGCACCTGTGATCTCAGCTGAGAAGGCCTACCACGAGCAACTCTC
AGTGGCTGAAATCACCACAGCGCTTTGAGCCCTCGTCTATGATGGTCAAGTGTGATCCCCGACACGTGCCT
GCACGTTACGTAGTAACAGGTGCGCGTGTAG

>trans_s_5439 DQ001754|*Citrus reticulata* voucher P.M. McNutt 019 (FLDCI) 16S ribosomal RNA
gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TTCCAGAAGTCTTTATCTCTCTGGTCTTAAGAATGCTGGTTTTAAGAATGAGTGATTGCCCTTCTCCGACCCTT
ACTGCCCAACCGGAGAGGCCTGTCGATTACGCAAGGTGAAATGTCCACTTTGGAGCGTGTGGTCCGCGACC
CCTGGATACCGAAGGCGTCCTTGGGGTGATCTCGTAGTTCCTACGGGGTGGAGACGATGGGGTCCGGTCCATG

GATTTTCCTTCCTTTTGCCGCATTTGCTCAAAGGGTTGAAGGGAGATAGTGCATCAAGCTGTTGCAAGGGC
CAACTTGAGAGAGAAGGGGATGCCACGTTTCATG

>trans_s_5440 GU227355|Punica granatum RNA polymerase alpha subunit (rpoA) gene, complete
cds; chloroplast

CCAGTGAGTGAGAAGTAATCTGTATGGAACCTCGTGATGCGTCTATTTGTGTCAAGGGTCTGGATGCGTAACT
GCTCAAGACATCATCTTACCACCTTCGGTGGAATCGTTGATAATACACAGCATATAGCTAACCTAACGGAACC
AATTAATTTTTGTATTGAATTAAAGATCGAGAGGAATCGCGGATATCATATACAAACGCCAAATAATTTTCAAG
ACGCAAGTTATCCTATGGATGCTATTCATGCTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGC
AGGGACCATCGCAATGCTTTGTTCCGATTTT

>trans_s_5441 FJ529181|Brassica napus elongation factor 1 alpha (EF1alpha.2) mRNA, complete
cds

AGGTATTGACAAGCGTGTTATTGAGAGGTTTGAGAAGGAAGCTGCTGAGATGAACAAGAGATCGTTCAAGTA
TGCCTGGGTGTTGGATAAGCTTAAGGCTGAACGTGAGCGTGGTATCACAAATTGATATTGCTTTGTGGAAATTC
GAAACCACCAAGTACTACTGCACTGTTATTGATGCTCCTGGGCATCGTGATTTTCATCAAGAACATGATTACTGG
AACTTCTCAGGCTGATTGTGCTGTCCTTATCATTGACTCCACTACCGGAGGTTTTGAAGCTGGTATTTCTAAAA
GCAAATGAGTTTACAGGTGTATTTCTTCCATT

>trans_s_5442 CT029973|Poplar cDNA sequences

CATGAAGATAACAGAGGATGTGCGGAAGTATGCTGAAGAACATGGGTACGGGACTGCGGAGGAAGCTCTGC
AGCAAGGGATGGATGCTATGAGTGCTGAGTTCTTGGCTGCAAAGAAAACCATTAGTGGTGAACAACATGGTG
AACTGGTGGGGAAATCTACTTGCTGCAAGCTACGTGGAGTCCCAGAAGAGGTGAAGGACCGTTCGTGAAG
GAGAAAGGGGTGGAAATGCAGGAGATTTATCGGCGATGATTAGACGACCAGACCAGAAAATTGATACCTGC
TTGAGTCTCCAGTTTCAGGCCATGGAAGAGTACTAACTG

>trans_s_5443 NM_126649|Arabidopsis thaliana PSBX (photosystem II subunit X) (PSBX) mRNA,
complete cds

GAAAAAACTTCTGCTGGATTTGACAGAGAAGAGCCCAAGAGAAAACCAAATGGCTTCAACTTCTGCTATTTCA
ATGGCGATGCCAATTACTAATGCGGCACAGAAGAGAGCGAGGAGGGCCGAAGCCTTCGCCAAACCATTGCCT
TTGAGGCCTTCCAACAAGCCAAGTGGCTCCTCAAGCTCCAGCGCCAAGTCCAAGTGCGGGCTTCTTTGAAGG
AGAAGGCTGTTGCTGGACTGGCTGCAACGGCACTCACAGCTTCCATGGTCCTTCTGAGGTGGCTGAAGCTGC
TGGCCCTGGCGTTAGTCCCTCTCTCGAGAATTT

>trans_s_5444 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

CCAGAAGGGCGAACAAGCCTTTTATTTGGTAGGTAACATCGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAACCTAGA
AATGGAGAGCAAATTGAAGAAATGACCTTAAATCTTAGTGTCCTGACTCCGAATCGAATTATTTGGGATTCAG
AAGTGAAAGAAATCATTTTAGTTACGAATAGTGCCAAATTGGTGTATTACCAGATCACGCACCTATGTAACA
CTAGTGCTCGCGCTGATTTTGAAAATACGCCTTACTCCTAATGATGGATGGTTAACGATGGCTCTGATGGGT
GGTTTTGCTAGAATAGGCAATAATGAGGTCACT

>trans_s_5445 AF377996|Cercidiphyllum japonicum PSI P700 apoprotein A1 (PsaA) and Ycf3 (Ycf3)
genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

TATTATATTTAGCTAGTATTAGTTAGAAATTTGGATATTTTTATATTTGTTATAATTCTTTGTTGTCCGCATCAGG
CAAATCAAAGGGATAATTTCTCAGTGAAGAACCAATCAAGGAATTTCAATTATATCCCTTCTAATCTAAGATCCT
TCAATTTTTTTTGGTATTTTGTAGGGGTAAACCAATCAAGTAAATCTTTTAAATTATTTCTTATGAGTCCTTGGTA
CTCGAAGAAGTGTTAAACTCGTGAATCCATTCTATGAAGAAATTGAAAAATGGAGATTCTTAATTATTCGTAAT
TAAATAAAGAATTCCCCCTTA

>trans_s_5446 AY310455|Valeriana tachirensis internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

TAATCGAATCCGAAGATTAGAGAGGGAGAACTGTATTTTCTCCTGGGAAAGGAGCCAGGGCTCTTCTGGCG
GGAATCTTTGAAACAACCTCTGGATTCTTTACAACCCAAAAAGACTACGATGGGTTCAACTTTTTTCCAAAC
GAGATCTGGAGATTGGGAACTCAAACACTCCTGTTATTCGAGATTTCTGAAAATTATAGAGAACAAGGCCGA
CCTCGTCCAGAACGCAGCCTGCGATCCCAAAAGTAGCTTTGTCTATTACTTGGAAGAGCACCGTACTTCTAGTT
CAGAAGGGTCTTCATCTGGTCCATGCACTC

>trans_s_5447 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

ACATGTAGCACCGTGCCGGGACAAAGAACTGTGATCCCGCGAGGGTGAGCTAACTCCAAAACCCGTCCTC
AGTTCGGATCACGAGCTGCAACTCGCCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGGC
GGTGAATTCGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTTAC
CTTAACCGCAAGGAGGGGGATGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGAGAGGTCAAACGAAGAAAGGCTT
ACGGTGGATACCTAGGCACCCAGAGACGAGGAAGG

>trans_s_5448 EF595936|Cucumis melo isolate 2007-B29 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence;
chloroplast

ATTGTGTTGGCCTCGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTCGTATTTTGGGCAGGAGAA
AGAAAAATAAGGGATCCATGGATAAAGGTGGAATTTTTCTAATCGTAACTAAATCTTCAGCCCCCCTTTGTA
TAAGGGAGATTGAAGCAAAACAAAATAGCTATTAAACAATGTCTTTGGTTTACTAGAGACGTCGACATCGTTT
TTTAGCTCGGCGGAAACAAAATACTTTTCTAAGGATTATATTAAATAGGGGCGAAAGGGCTTTATTTATTGA
CCTTTCCGGTGGCGCCGAGAAGAGGTTAT

>trans_s_5449 BT026424|Arabidopsis thaliana At3g21570 mRNA, complete cds

GCCATGCATGTGTTTTCTTTTTGTTTGTATTTTTGGAAGATTCTTAGGGATTTGTCTTCTTTCATTCATGGG
GACTGAGATTTTAAGACCTCAGGATTGTTTGATCGAAAGGATCAGAGTTCCACCGGCAGCGTTTTGTCGTCGG
AGGAGTTCTTATGGAACTATGATTCCAATATTTGTAACAATAATCCTAGATCTAACAGGAAGTCGGTGG
CTCGTTCCGAGCGTTCGGAGCGGCCGGAGCAGCGGAAGAGATTGTTCGAATCATTAGAGCCGTCGGTCT
CACCTCTGCTAGACCTTAGTCTAGGCT

>trans_s_5450 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

TTAGGGGAGTTGATCGGATGCTGCCAACTTGGTCAGCCTTTACCTGACCAACGACCTAATACTACGCAGGCTC
ATCAAACAGCGCTTTTAGCTTTCTTCAGGATTTGGCCGTTGACAAGCGCAGATTCCCACGCGTTACGCACCC
GTTCCGCACTTTGTTCTCAACTCTCCACCTTGAAAGGCGAGACAAAGCGTTGAGCCTCTTTTCTTCTGCCTA
GCTCCCCGAAAACAACGTTGACTTGATGTGTTAAGCATATAGCTAGCGTTTCTTCTGAGCCAGGATCAAAC
CAGATTTTTTGTATGATTTGCATTA

>trans_s_5451 GQ997298|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 acetyl-CoA carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

TAAC TTCAAAGCCCTGGGGACTAAGTAAGGCTTTACTTGATTGAATTTTGATTGAGGGAACGAAAGCGTGG
AGCTGAAATAACTCACTCACAAACACCTTTTAAAAGATTACGTGGTACGATTAGATCGAATAAGCCCTTATCGAA
TAAAGATTGAGCCTCCTGTGAACCCTCAGGGACTGCCTTATTCAATGTTTGTTCAATTACTCTTTTACCCGCAAA
TGCGATGTAGGCATTTCGGTTCGGCAATAATGATATCCCCAACATACCAAACTAGCTGTCACCCACCAAGTA
GTAGGAGATGTAAGGATTGCTACATA

>trans_s_5452 XM_002314957|Populus trichocarpa s-adenosylmethionine synthetase 3 (AdoMet3), mRNA

AGACACCGTGAGCTCCCCATCCACCGTATGTGTCGATGATGATCTTACGACCAGTGAGACCTGCATCTCCGTGT
GGGCCACCAATGACAAAGCGACCAGAGGGATTGAGGTGGAAGATGGTCTTCTCATCAAGGTACTTCTCAGGG
ACTACAGGCTTGATGACATGCTCCTTAAGATCAGCTGCAATCTCATCGTTCCGGTCACTGGGACGACGTAGTTG
TTCTCGTCTACAGTGTGTTTCAGGCGCCCCCTCCAGGGGACTTGTGCCCGGTCCGCCGCTGAGGACGCTTCTCC
AGACTACAATTTCGGACGTGAGGACGC

>trans_s_5453 DQ372576|Gossypium hirsutum isolate vdr17 disease resistance-related mRNA sequence

GGTTAATCTGACCTTCTTTCCCATGCATTTCTTAGGGCTTTCGGGTATGCCACGTCGCATTCTGATTATCCAGA
TGCTTACGCTGGATGGAATGCCCTTAGCAGTTTTGGCTCTTATATATCCGTAGTTGGGATTTGTTGTTTCTTCGT
GGTCGTCACAATCACTTTAAGCAGTGGAAATCAGAAAAGATGTGCTCCAAGTCCTTGGGCTCTTGAACAGAAT
TCAACCACACTGGAATGGATGGTACAAAGTCCTCCGGCTTTTCATACCTTTGGGGAACCTCCAGCTATCAAGG
AGACGAAAAGCTATGTGAAGTAAAA

>trans_s_5454 HM122502|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L28) mRNA, complete cds

CGAACAAGCACGTGACATGTATTCAAGCTTGACGTAAACAAATGCCCTACCTTTTCTTTTCATCTTTCTCAAATT
CTTCATAGAAGTCATCGTCATCGTCATCATAGTATTCTTCATTATCATCATCGTCGTAATAATATTCTTCATCAAG
GTCTGAGTCACTGTCCTTGCCTTTGATATATATTTAGCTGCTGTGCCCCATCAGTCCATGGCTGAAGAACA
TAGATGCCAAGCGCCGAAGCTTTGTGCGAACAACTGCGGATTTTTTGGCAGTCCCGCGACAAGAGATCTCTGT
TCAAATGTTACCGAGATCTGCA

>trans_s_5455 EF595936|Cucumis melo isolate 2007-B29 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence; chloroplast

ATAACCTCTTCTCGGCGCCACCGGAAAGGTCAATAAATAAGCCCTTTCGCCCTATTTAATATAATCCTTAGG
AAAAGTATTTTGTTCGCGGAGCTAAAAAACGATGTGACGTCTCTAGTAAACCAAAGACATTGTTTAATAG
TCGCCCCACCCCATCCTGGCTCTTTCGCGTGGGAAAAAATTGAAGATTTAGTTACGATTAGAAAAAATTCCA
CCTTTATCCATGGATCCCTTATTCCTTCCTCTTCATCCAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATT
ACTCCGATCCCGAAGGCCAACAG

>trans_s_5456 GQ998864|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum accession no. 581-4C 16S ribosomal RNA (rrn16) gene, complete sequence; chloroplast

ACGACCCGGCCAGTTAAGGCCAGGAGCGCATCGCCGGCAGAAGGGACGATTTCTAAGGATTACGAAAAAGA
AGTGCGGTTAAGGTAACGACTTCGGGCATGGCCAGCTCCCATAGTGTGACGGGCGGTGTGTACAAGGCCCGG
GAACGAATTCACCGCCGTATGGCTGACCGGCGATTACTAGCGATTCCGGCTTCATGCAGGCGAGTTGCAGCTC
GTGATCCGAACTGAGGACGGGTTTTTGGAGTTAGCTCACCTCGCGGGATCACGACCCTTTGTCCCGGCCATT
GTAGCACGTGTGTCGCCCAGGGCATAAGGGG

>trans_s_5457 Z46740|L.esculentum gene for 7S signal recognition particle RNA (713 bp)

AGCCACCACGTTGTGTTGAGGGTCCAAAAAAAAGTGGTTGTTGGGCTGAGAACTACCCACAGAGTATTTGAC
GGGCCACACCTCAACGACCTGTTATCCTTCCACCGACAAGACCGGGAGGTGACGCTGCTCTGTGAAACGAGCC
TCACGCGGTTTCTCCATCTCTAGTGGCGATGAACTCCAAGCCTTCGCTCGAAGCCCAAGGCCCAACTCTCTAC
TTGGAATGGGCAGGCCGTAACTATCCCGATAGAACCCTACTCTGCAAGCTGGGCCAACCTCCAACCACATAT
ATGCCCCCGACACTGTCATCAGTAGGGT

>trans_s_5458 X57163|T.aestivum nad4 mRNA for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

ATCCGAAGGGTACTCATCAGGCCCGCATATCACTTTGCGGGTGTCAACAACCTTTGTGCCACTCCTTTCATTTA
TACTTTAAGCGCGATTGCTATAATATATACTTCCTTGACCACTTTAAGACAGATCGATCTTAAGAAGATCATTGC
TTACTCCTCAGTAGCCCATATGAATCTGGTGACTATTGGTATGTTTAGTCTGAACATACAGGGAATTGGAGGTA
GCATTTTACTGATGTTAAGTCATGGACTGGTTTCTTCAGCCCTTTTTCTATGTGTTGGTGTCTATATGACCGAC
ACTGAGTCTAGTCCACCTCTAG

>trans_s_5459 EF207446|Heuchera micrantha inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GAAAGAGAATCAACAATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGTCCTCGACCCGCAACAGATAGAGA
TAGAGGAGGATTTCTTCAATTACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGCTTCTATTTGATTGT
ATCAAAAGGCTCAATGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCTAGGTCATTTTCGGGGCAAGCGGATCATTTATGATA
AAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTTGGAGTTCCTGCAGAGTGGAACCGTGCAGTACCAGACACGAGATA
GATCTTCCAAAAACCTGGACAAGTCCACTG

>trans_s_5460 XM_001698508|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GCTACTGCCTATATTCATTCAATTGTGTAGTAGTATTTCAAGATTACAGTAACCCGAAGAACATTCTGAATTCATA
AAAAGAACAGAATATAGTAAACAACTTAACATCTAAACAGGAATTGAGAACACACCGTCGGTTGAATCTCTA
ACCGCTATTCGTCGTAGAGCCTGTTCAATTACCCACCGGTGGGACACCCGTCCACACTCAAGCCCCGATCCAAT
CCTCTTTCAATCTCGATCCGAAGCCCGAAGGTCTCTTTTCGTTTTACGTTTTTCTTAAGCGGGGCCTTTTCGTTT
TTGATTAATGAAAACATCCTTGG

>trans_s_5461 X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

CATTAGCCGGCTGGTGGGAGCGAGAAGTTTGGGATATGTTTGGTGTTCCTTCATCAATCATCCGGATCTACG
CCGTATATTAACAGATTATGGTTTCGAGGGTCATCCATTACGAAAAGACTTTCCTCTGAGTGGATATGTGGAA
GTACGCTATGATGATCCAGAGAAACGTGTGGTTTCTGAACCCATTGAGATGACCCAAGAATTTGCTATTTTCG
ATTTTGCTAGTCCTTGGGAACAGCGTAGCGACGGATAATTCAGAATCAGAATAGGTCCAGTCCAGGGGACAA
ATCAATAGGAAATGCTATTTGAGGGAGC

>trans_s_5462 FM205873|Micractinium pusillum 18S rRNA gene (partial), ITS1, 5.8S rRNA gene,
ITS2 and 28S rRNA gene (partial), strain CCAP 248/15

CTCGTACTTTTAGTGAAATGGTATGTCTACTCATGACTACCTGCAGAGCAAAGACCCCATTCATCCTCATCCGT
ATTTGAGTATAGAAGAGAGGCATTCTGAGCCGACTACTACGACTACATGCGCATCTAGTGCAGTGGCTTGGA
GCAAGCTACCTTTCCCATCTTCCAAATCGACTGATCAAAGGCTGTAGGGCGGACTGCTCTAGTCTATATACTT
CCCAGGATAGTCGGACCTCTGAATTCCAGTCAAATACTATATTCTTCGAAAGTGAAATACGAATGCCCC
CGACTGTCCCTGTTAATCATTACT

>trans_s_5463 CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

TTCCCAAACCTAAAATAACTACGAATTGAATTTTGATGTATCTTCTTATGGGACTTCTCCTAAAGAGTCTGAT
TCCAAATAGTAGGTTCTGCCTTCGTCTTCTCTCTCTTCTTCTTCTGATAAGAAGATATATAAGTAGTCAAG
TCAACTCCTCTCAACTCCTACTCCGCCTTGTCATTGATCTTCTCATGAACTGGAAGTCTGATTCTAGGTCCGT
GGTAGTTTCAAGTCAAGACGGTAAAGCAGCTTCTATGATAACCTCTCCGCCAAGTACCAGTCGAGCATATTCT
AACCTTCTTCTGGGTCTTG

>trans_s_5464 AB018441|Nicotiana tabacum phi-1 mRNA, complete cds

ACAAATCAATTCCCTCGAAAAAGAAAAATGGCTTCCTTCACTTTTGTTATTTTCATCAATGATTTCGCTTCTTCATC
GCCATCTCCCTCTTCCAAATCTCCGCATCGCGTATGCTAAGCGAGTTCATTCCCGACCAAACCCAGTCTCTTAA
TATCACAATGGTGTCTTCTCTCCGGCAAAATCAGCGTCAATCTTATTTGGTATGGTAAATTTAAGCCTTCTCAA
AAAGCAATCGTCTCCGATTTTCATCAGCTCTCTCTTCTCTCGTCCTCAAATCACCGAACCATCGGTTTCCACTT
TGTGGGGGTCCCATTTCT

>trans_s_5465 AY179554|Prunus persica cultivar Wonkyo Da18 ('Yumyeong' X 'Tsiyomaru') 18S
ribosomal RNA gene, partial sequence

CGATGCGTTAAGTCGTCTGCGAAGGTTTCTAAGAGTTGGAAATCCTCAGAGACCCGTTTCAAATCAACCACAC
AGTAAGAAATCATGGAACCAGATGAGGATCCCGACCAGAAAAATCCCCCTAAATTGGGCTATCTTGACACGA
GGGTAGGCTAATGATAAGGCTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCTTTTTG
GAGTGTACATACGGCACTTCCTATCAATTGTGGGAGTGTTCGTCATTGGAAGTGAATACGAATGCCCCCGAC
TGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCC

>trans_s_5466 EF422945|Streptochaeta angustifolia photosystem II D2 protein (psbD) and
photosystem II CP43 protein (psbC) genes, partial cds; plastid

TCAAATACCTAAGCATAGAGTGCGCACGGCTACGTTTCGCCACGACGCTTCGGGATATCCCGCTTGTTGTTTT
GTCTGGTTCAATAATACTGCTTATCCGAGTGAGTTTTACGGGCCGACTGGACCAGAAGCTTCTCAAGCTCAAG
CATTTACTTTTCTAGTTAGAGACCAACGTCTTGAGCTAACGTTGGATCCGCTCAAGGACCTACTGGTTTAGGT
AAATATCTAATGCGTTCTCCGACTGGAGAAGTCATTTTTGGGGGAGAGAGATTGGTAGAATCCTTTCAGACG
ACTTAAATACGCGACAGGGTAAA

>trans_s_5467 AF377996|Cercidiphyllum japonicum PSI P700 apoprotein A1 (PsaA) and Ycf3 (Ycf3)
genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

ATTTAGCTAGTATTAGTTAGAAATTTGGATATTTTTATATTTGTTATAATTCTTTGTTGTCCGCATCAGGCAAAT
CAAAGGGATAATTTCTCAGTGAAGAACCAATCAAGGAATTTTATTATATCCCTTCTAATCTAAGATCCTTCAATT
TTTTAATCCACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTTCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTAATTGCCTGTTG
ACAGTCCGGTCCGATTTGACATTAATTAGAATTCTATACATAACTTTGAATTTCTCGAGCCGTACGAGGAGAA
AACTTCTTATACGGTCTG

>trans_s_5468 NM_001052721|Oryza sativa Japonica Group Os02g0195600 (Os02g0195600)
mRNA, complete cds

GTCTATCATATCTTGTCCAGCTTTTCAGCCTTCACTACAGGGTTGGCTTTTGCAATTGCCTCCCGACCAACGGCC
TGGTAATCAAAAAGAGCAGTTGTGTTTATCAGAGTAGCGATGGACTGCACAGAAGAGGCTTCACATCGGCAG
TTAAACCCTGTTAGACCAACGCGCTTCTGCAGCTGCTGCACCTATTTGGGCTTTCTTTCACCTTCTCTACGGTG
CTGCTTGCATTTGATGAAGTTGTCAACAGTACCCGCAAAGTGATATGCGATAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTA
CCAATCGCTCGGTGGGAATTC

>trans_s_5469 AJ538781|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT1-M22-007

GCACTCAAAGGAAAGTCTAAAGTATGTAGGTTTCTGCTTTTTAGCCCACTATTTTTTGGTAGTTCGATCGTGGA
ATTTATTTTTTCTGTATTTCCGGAATATGAGTAAAGTGTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTTGAAATTCAGGC
GATTGCAGATGATATAACTAGTAAATACGTTCTCCTCATGTCAACATATTTTATTGTCTAGGAGGAATTACGC
TACTTGTTTTTATGACAAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCGACCGTTACTGAGCGCC
AACGGGGTGGCTAGCAGG

>trans_s_5470 GU397098|Begonia johnstonii voucher Royal Botanic Garden Edinburgh 19990653
tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCAGACTGGATAAATGCTCCATAGATAATA
ATAAGAAATAAAATGACATTATGGAACAAAACACTGTATCGCACTATGTATCATTGATAACCCAATAAATCCC
ATTATCGTATCCCCAGTTCAAATCAAATTTTAAATGGAGGAATTTAAAGGATATTTAGAACTTGAGAAATCTCG
GCAACGTGACTTCCTATACCCACTTATCTTTCGGGAGTATATTTACGCATTTTCTCATGATCATTTTTTATTACGC
GCACTCCAAGGTTACCAAG

>trans_s_5471 Novel Gene

TTGACTGGGAAGGATCGAACCATGGGAACGAATCTACAGGGCTATCACCTTCTTTGGCCAGATCTTCCAACCT
TTTCACAACTCAAATCTTTGACCCTTGACCTCGTATGAAAGGTCAAGCGGCTTGCTGGTTTTTCCATCATCCAA
TCCACAACAAATCGAATGAAACCTGGCGAAAAAGAAAAAGAAGTTCACTGGACACAGGACGACTCCTTGAGC
GAGCTGGGGTGCCTCGCCAAGTCACTGGTGACGTTTATGGGACAGCATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATT
CTACCAATCGCTCGGTGGGAATT

>trans_s_5472 AJ236706|Humulus lupulus H17SL-1 gene for signal recognition particle

ACTACTCATGCCGATACTCGCCTAGATGTGTAACGCCTCCCGACGGGGAATAGGAAAAAGTGGTTGTCAGTC
AGAGGCCTACCTATCGGGTATTATTGGGGCCCAAGGGAACCGGCCGTTATCCTTCCACCGACAGAAGCGGG
GGGTAACGCTGCTCTGTGAGACCAGCCTCACGCGGTGTCCCCACTCTAAGGGCAACTGACTCTCGGCCTTCG
CCCAAGCCAATGGCCCAACTTCCTACTTGGAATGGGCGGGCTAGTAAATCTCCCTAAGAGACCCTACCAGA
AGGGCTGAGCCCGCTTCGTGGCCG

>trans_s_5473 AB063191|Cucumis melo CmEIL1 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

GTCGTTGGTCATTAACGATTGTAGTGAATATGATGTAGAAGGCGCTGAGGAGGAACCAAGCTTTGATGTTCA
AGATCGTAAACCTGACAATCACAGCTCGTTCACTTAGGGATGGACAGAATGAGAGATCGGGTGTCCCTTCGT
CAACCACCTTATGCAATGAAAGGAGAGGTTACTACAACTTGGAATTTTATGCGAAAGAGGAAACCTACCAGCG
ATTTGAACATGATGATGGATCAGAAGATCTATACATGTGAGTTCCTCCAATGTCCTTATAGCGAACTTCGTCTC
GGTTTAATCTGTCTCATGAACT

>trans_s_5474 X52200|Mitochondrion oenothera bertiana mRNA for nad3 gene, rps12 pseudogene and ORF for NADH-dehydrogenase subunit 3

GCAAACCTCACTCTACCATGACGATAGTAACTATGAATGTAGGCATCGCCCTCTCACTAGTGATTACTCCCAA
TCCAAAGCACCCCTTTTCCATTCATAGAGAAATCCAATCGTCAAAATCAATAAAAAGGCCATCATGGACCAAAA
TCCAAAGAGATCAATCTTGTTGAGAGATACTGCCCAAGGAAAGAAAAAGGTGACTTCCAGATCAAAGATAAT
AAATAAAATGGAAACAAGATAAAATCGGATATCGAAACGACTTCTGGCATCACCGAAAGGATCAAACCACA
TTCATAGGCCGACAATTTTCTG

>trans_s_5475 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CTCTATAGGAGGAAGGCACATGGCAAGTCTTTGTGAAATAACTCCGATGAGAAGAAAAAGAAGGCGTTAAG
AAACCTCCTGGCCCAACCTAGACACTCTAAGATCCTTTTCAAATCTCCTGGTCCCTGCGGAAGAAAGGAAA
AAGAATTTACGTTCTTCTTTTCGCTTCGGAAGGGAGGATTAAGAAAATCCTATTGATTGCAGCTTTCTCCA
GACCTCCGGGGGGGACATGAAAAAAGGCGATCCCAACGCGATCCCTCCGTCACCCAGAATGAAAGGGGC
GATCTCGTAGTTCTTGGTCTGTGA

>trans_s_5476 U67186|Eschscholtzia californica NADPH:ferrihemoprotein oxidoreductase mRNA, complete cds

TCGATGAACAGCTTGCTGAGCAGGGTGGAAGCGTCTTGTAACAGTGGGTCTAGGAGATGATGATCAGTGCA
TTGAGGATGATTTCTCTGCGTGGCGTGAACAATTATGGCCTGAGCTGGATAAGTTACTTCGAGATGAGGATGA
CTCTACATCTGTTTCTACCCCATATACTGCTGCTGTATTGGAGTACAGGGTTGTATTCTATGATGCTGCTGATGT
ATCTGGTGGGGACAAGAGATGGGCTTTTGCCAATGGTCATGCTGTTTACGATGCTCAACATCCATGCAGGGCA
AATGTGGCACACTCTTTCCTCG

>trans_s_5477 NM_001073383|Oryza sativa Japonica Group Os12g0508300 (Os12g0508300) mRNA, complete cds

TCTCGCAAGCAATCCAAACATGGGGCACTCGAACGTCTGGAATTCGCACCCTAAGAACTACGGACCCGGCTCT
CGAACCTGCCGGGTTTTCGGGAAATCCACATGGTTTGATCAGAAAGTATGGACTTATGTACTGCAGACAGTGCT
TCCGTAGCAACGCCAAGGAAATTGGTTTCATCAAGTACCGCTAAATGGCCAATTTTTTGTCTCCCGTTAGAGGT
GTAACAGATGGATTATGTTAGCAGCATTTTCATATATATAAGATATAGAACCTTGAACCTTCCATTTTATGTCC
CTAGTTCTTTTTTTTTTTT

>trans_s_5478 GQ435576|Siraitia grosvenorii voucher PS0464MT02 Ycf5 (ycf5) gene, partial cds; chloroplast

CGGAGCGATTGGTAGAATCCTTTCAGACGACTTAAATACGCGACAAAATATTTATTCATACTCGACGGCGTA
ATATTAACATATATCTTTTTCGGTCATTTCAATTGTCATTACAATTACGTTAATAACCTTATTAATCAATGAAA
CCGTAGGACTCTATGTTTCGTCAGAAAAGGGCATGATAGTTACTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACT
CGTTGGATTATTTGAGGCATTTACCATTAAGTGATTATATGAATCATTACTATTTCTTTCATGGGCTTTATCCA
TTATTCATCTATTG

>trans_s_5479 FJ605469|Pimelea ammodarisi ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

TTACCAAAGATGATGAAAACGTGAATTCCCAACCATTTATGCGTTGGAGAGACCGTTTCCTATTTTGTGCGGAA
GCTATTTTTAAATCACAGGCTGAAACAGGTGAAATCAAAGGACATTACTTGAATGCTACTGCAGGTACATGCG
AAGAAATGATGAAAAGGGCTATATTTGCCCGAGAATTGGGAGTTCCTATCGTAATGCATGACTACTTAACAGG
TGGATTCACTGCAAATACTAGCTTGGCTCATTATTGCCGAGCGCCGTTGAGCAGGAGGACACGGACAATGTAC
CGTACGTAGTGGCGGTCGCTC

>trans_s_5480 AY527172|Cucumeropsis mannii voucher PI532721 NADH dehydrogenase subunit F
(ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

AAGGGACGCCTACGAAGGAGAAGTATCTTCTTCGGTGGATCCCTCTTGTTCTGTTAGTCCCCCTTCGTTTCGG
AAGTGGTTTCTATTTCTACATCTGTTTCTTCTCGCTTTCCCCCTTTTCTCCGTTTCTGAGGTTTCTTTCAGTTTC
TTAGTAAGAATGGGTGACGGTATTCTGCCTAAATAGTAGACACAGGTAATAAATAAGAGAATACTAAAGATT
GAGCCATAGAATTTCTCAAAGAAAGGAGGAACCTCCACAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCT
CGCATCGATGAAGAAC

>trans_s_5481 GQ997172|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 photosystem II
phosphoprotein (psbH) gene, complete cds; chloroplast

CATGCCATACTCCCAGGAAAAGCTCGAACGACCTTCAACAGGGAAGTACCTGACGATAGTTCTAGATCTGGGC
CAAGACGAACTGTTGTAGGGGATTTATTGAAACCATTGAATTCGGAATATGGTAAAGTGGCTCCTGGGTGGG
GAACTACACCTTTAATGGGTGTCGCGATGGGTTTATTTGCGATATTCCTATGTATTATTTTGGAGATTTATAATT
CTTCCATTTTACTGGACGGAATTTCAAGCAATTAGATTCGATTCACAAGAACCCTAAATAACTTTTCTTTTTTT
TTCCCCCTTAAAGGCCA

>trans_s_5482 AJ864703|Fragaria vesca partial chloroplast 23S rRNA gene

GTCCCTGTCAGCCCCCGTAAGCAGGTAGACAGTTTCTATGGGGCGTAGGCCTCCCAAAGGTAACGGAGGCG
TGCAAAGGTTTCTCGGGCCAGACGGAGATTGGCCCTCGAGTGCAAAGGCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAG
ACCCACCCGTCGAGCAGGGACGAAGACTAATTCCGACAGCTTAGTAACATTTCTGTTCTTTAATGCGCTCAAC
GGATAAAAGTTACTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTAACTCAG
GGATCAGCCTCTGAGATTGTTT

>trans_s_5483 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CGAGTAGTCCTCACACTCATCAGTATAGTTGATATTAGTATTAGTAGGAATATTTCTAATTTTTCTGTTCTCCTT
TGCCGATCAGTAAGCTTATTCCTATCATTAAAAAGTATGACATTTTTGGCTCTTCTTGAACGAATTTGATGATCT
TCCGGCATATCTTCGTCGTTTTCTTGGATCAGTTGGTCTGTCTCCGTGATTAATTTGTATGACCAGCGAGGAAC
TTTTTACTTATTTCTTTTATTGCAATCGAGTTTTACCACCTTTCTTAGCTCCATCGAAGAAAAAACAGGGAG
CCCCTCGACGTT

>trans_s_5484 AL161494|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 6

ACAACAGCTGTTGTTTCCGATGGATTCTCTCCCTTCTCACCAGTCGTGGTTATGCGGCGGCGGCGGGTTCTCA
AGGAGTTGCGTCGAGTGCGGTGAAAGGAGCAGGTGTTGCGGCGGCGAGGAGCAGTAATCTGTTGAAGAAAT
CGGGAGAAGAGAAGGTTGTTGGATCAACTGAGAAGTTTCTTGGGTGCCGGATCCTGTCACGGGGTATTACC
GACATTCTCGCTAGCGCGATGAGATCGATGTTGCCGAACCTCGATCGATTCTTCTTAAGAACAAAACTAAAA
ATTATTTTTCCGGAAGGAAAAA

>trans_s_5485 DQ785833|Cucumis melo subsp. agrestis ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit gene, partial cds; chloroplast

GGAAGCAGGGGCAGCTGTAGCTGCTGAATCTTCTACTGGTACATGGACAACCTGTGTGGACCGATGGGCTTAC
CAGTCTTGATCGTTACAAAGGACGATGCTATGGAATCGAGCCTGTTGCTGGAGAAGAAAATCAATATATTGCT
TATGTAGCTTATCCCCTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCCATTGTGGGTAATGTA
TTTGGATTCAAGGCTCTACGTGCTCTACGTCTGGAGGATTTGCGAATCCCTACCGCTGCGCGGCCCCAGGGAA
CCTTAAACAAGACGTTGCG

>trans_s_5486 NM_001049746|Oryza sativa Japonica Group Os01g0521400 (Os01g0521400)
mRNA, complete cds

GAGCCTCCTTGAGTCTCATCTCATTCCATCAGCCTCATCTGCTGAGTCAAAGGTGTTTTATCTCAAAATGAAAG
GTGATTACCACAGGTACCTCGGCCGCGACCACGCTAGCGGCCGCCCGGCAGGTAACAGTATGATGAAGG
ATGCTGGAGTTGATGTATCATTCAATGAATTTGAATACGCGCATCTGGACTTCACTTTCTCACACCGGGAGGA
GCTTTTGTCTTATGTGATGTCTCGGCTACTTCTGGTCGATGAGCCTGGATCAAACCGGAAACCGAAGCTTTCAC
AGCAGAAGGTATCAAAAGT

>trans_s_5487 GQ997854|Rhododendron simsii voucher FLAS:M.J. Moore 324 16S ribosomal RNA
(rrn16) gene, complete sequence; chloroplast

TTGCTACCTATGATCTATAGACAGAGAAACCACCCGTGCAGTGCTGTAGCTAACGCGTTAAGTATCCCGCCTG
GGGAGTACGTTGCAAGAATGAAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTT
TAATTCGATGCAAAGCGAAAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGG
TAATTTCATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCTGAGATGTTTGGTCAAGTCCCGTGGTAGAT
ATGGTTTCTACAAGGCTGGTAA

>trans_s_5488 AY253872|Chaetocalyx longiflora isolate 906 small subunit ribosomal RNA gene,
partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed
spacer 2, complete sequence; and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

ATAGTGTTGTATAGGGGTAAAAACCTAATCCTCAGAGACCCGTTTCAAATCAACCACACAGTAAGAAATCAT
GGAACCAGATGAGGATTCCTGACCAGAAAAATCCCCCTAAACCAAATCGCTCCAGTGTAAGGGTAGGCTAAT
GATAAGGCTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCAAAAACCTCACAGTATGC
CGTGAAGGATAGTTAACACCGCTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTG
TTAGTAATTCCTCCCTCTA

>trans_s_5489 FJ040858|Arceuthobium pendens isolate PEN2014 ribosomal protein S7 (rps7) gene,
partial cds; ribosomal protein S12 (rps12) pseudogene, partial sequence; tRNA-Val pseudogene, 16S
ribosomal RNA gene, tRNA-Ile and tRNA-Ala pseudogenes, complete sequence; and 23S ribosomal
RNA gene, partial sequence; chloroplast

GTTGAGTAAGAGCCAATTTCTCGAGTGCAAAGGCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAGACCCACCCGTCGAGCAG
GGACGAAGACTAATTCCGACAGCTTAGTAACATTTCTGTTCTTTAATGCGCTCAACGGATAAAAGTTACTCTA
GGGATAACAGGCTGATCTTCCCCAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTGGCACCTCGATGTCGGCTCTTCGC
CACCTGGGGCTGTAGTATGTTCCAAGGGTTGGGCTGTTGCCCCATATTCGCCATGCACTCGACCAAGTCTTG
CAGCACTCTGTCAAGCCA

>trans_s_5490 DQ673257|Jasminum leratii psaA-psbB fragment, chloroplast

ATCTATATGATATGAGACAAAAAGAAGAAATGGCAAGATAATTTGTGTATACCAATGGAGGAAATAAATA
AAAAATGTGGAAAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAAACTGTAGACCAATTGAAAGGGATGTAGCGCAGC
TTGGTAGCGCGTTTGTTTTGGGTACAAAATGTCACGGGTTCAAATCCTGTCATCCCTACCATAAACTTATCTTCT
GAACAGTAACGAGGAATCAATTGAGATCCATAAAAAATTGAACATACATATATCGACGGTTCCTCTCGTACTAG
GTTGAATTACTATTGCGAC

>trans_s_5491 X57693|B.vulgaris coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

TGCACCTGACATGGCATTTCACGATTAAATAATATTTTCATTCTGGTTGTTGCCACCAAGTCTTTGCTCCTATT
AAGCTCAGCCTTAGTAGAAGTGGGTAGCGGCACTGGGTGGACGGTCTATCCGCCCTTAAGTGGTATTACCAG
CCATTCTGGAGGAGCAGTTGATTTAGCAATTTTGTCTTCATCTATCTGGTATTTTCATCCATTTTAGGTTCTATC
AATTTTATCACGACTATTTTCAACATGCGTGGACCTGAGGCAGTCGCATGCGAGCCGTTTCTCCACACAACCT
CACCTCGTGTCACT

>trans_s_5492 HM122491|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L18)
mRNA, complete cds

GAACGCTGTGGCATTCCGAACCGGTTTGGGAATCCTCAGAGACCCGTTTCAAATCAACCACACAGTGCCTCCC
TGCGGAACCAGATGAGGATTCCCGACCAGAAAAATCCCCCTAAACCAAATCGCTCCAGTGTGAGGGTAGGCT
AATGATAAGGCTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCTGGGGTTCTGTGACG
CATTACAGGAAGCGACCGGTGTTTCGCGCTCTCTAGCTACGCGAGAGGCTCTCGCGGAACGGCTCTCTCGTT
GTGTTGAAAATTTCCCCTCT

>trans_s_5493 AY058069|Arabidopsis thaliana At2g46080/T3F17.27 mRNA, complete cds

TGAGAAGTTGATCGATGTATATCTGGACATCAGTGTGAAATTACTTGATGTCTGTAACGCTGTTAGCTCAGAG
CTTTCACACTTGAACCAAAGCAACCTCATGCTTCGGTGCGTCATCCATAATCTGGATTCTGCTGATTGAGAAGC
ACTTACTAGAGCTCGTACTTCCTTAGAAGAATGGAGACAGAACATCAGCACCACAAGTTCTAGAATTAAGAAT
TGTTGTGTAATCTTAGACAGCCTTGTAAGAATCACTTGATCTTCAAAGGTTTCGAACCTTGCCAAAGGCAAGGT
TCTGATGCGGGCTTTGT

>trans_s_5494 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

CACTTTCATAAGCATCGGTATGGCACAGCCCTCATTTGACATCTCAGAGGAGCTCTTCCCGGAGCTGGGTGGC
CTTGCTAGGCCAGATATGATTGTATGTGTGATAGCATCTACTATACTAGGAATATCAATGAACCCGATTATTGA
AATTGCTCAGGATACCCTTTTTAGGGGCTCTCTAGAATCTATTTCTTAGTTCAAGATCCCTCTTACTAACTGG
AATCAAAGAATTAGTAGATCTGTTCCGCCCAAATGGGAATGGGCTAGGGTTATGAACTTATAATCTAGAATC
TGATGATCGAGTCGA

>trans_s_5495 GQ163452|Momordica suringarii voucher A:J. F. Maxwell 86-1033 maturase K
(matK) gene, partial cds; chloroplast

AGACCCTGTAAAAAACTTCATGATTCTGATAAGTTTATAACAATACTCGTGAAAAAGAACCCTAATAAATGA
AAAGAAGAGGCATCTTTCACCCAGGAGCGAAGGATTTGAACTAAATTTCCAGATGGAGGGGATAGGGTATT
AATACATCTGACACATAATTTAAATGTGGGAATTTATCCTCTAAAAAAGGAAATATTGAATGACTTGATCGTAA
ATTATAAGATTTTTCGATTTCTTCTTTTAAGGAAGATACTAATCGTAGGGAAAATGGAATTTCCACAATGA
CTGCAAACCTTCTGA

>trans_s_5496 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

AGCTAAGGAAGCTCGGCAAAATAGCCCCGTAAGTTCGGGAGAAGGGGTGCCCCCATCTTTTCTTAGGAAAG
CGGCACATACCAGGGGGTAGCGACTGTTTATTAACACAGGACTCTGCTAAGTGGTAACACGATGTATAG
AGTCTGACACCTGCCCCGGTGCTGGAAGGTCGGAAGGAGAAGTGTGATAAGCTTTGAATGGAAGCCCCGGTA
AACGGCGGCCGTAACGATAACGGTCCTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTCGGGTAAGTCCGACCCGCACCTTTC
CGCATTATCGAGTTTACAGT

>trans_s_5497 GQ997939|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 envelope
membrane protein (cemA) gene, complete cds; chloroplast

CCGACCCGCACGAAAGGCGTAACGATCTGGGCACTCAGAGCTTGGACGAAATGCTAAAGGAATACCCAGAAA
CACATCTACAAAAGCTTCGTATCGGAATCTACAAAGAAACGATCCAATTGATCAAGATGCACAATGAGGATCG
TATCCATATGATTTTGCATTCTCGACAAATATAATCTGTTTCGTTATTCTAAGTGGTTATTCTATTCTTGGTAAT
GAAGAACTTGTTATTCTTAAGTCTTGGGTTCAAGAGTTCCTATATACTTAAGCGACACGCACCTCGAAAAAG
ATAAGAAAAAAA

>trans_s_5498 AY968491|Coccinia sessilifolia NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial
cds; plastid

ATTTTTTTATTAGGTACCCTTTCTTTGTGGTATTCCACCCCTTGCCTGCTTTTGGTCCAAAGATGAAATCTTA
ATGATAGTTGGTTGTATTACCGATTTTCGCAATAATCGCCTGTTCACAGCAGGATTAACAGCATTTTATATGT
TTCGCATCTACTTACTTCTTTGATGGACATTTAAACCTTTATTGTAAAACTATAATGGAAAAACAAATAACT
CCCTTTATTCAATATCATTATGGGGTAAAGAAAAATCAAAAATCATTAAAAAAACTTTCTGGTTAAACTCTC
AGTAAAC

>trans_s_5499 FM958480|Watanabea reniformis 18S rRNA gene (partial), ITS1, 5.8S rRNA gene,
ITS2 and 28S rRNA gene (partial), strain SAG 211-9b

ATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTTCGTATTTTATTCCAATGACGAAACACTCCCACAATT
GATAGGAAGTGCCGTATGACACTCCAAAAAGCAGCGAGAAGCCATCGAATTAGAATGTTGTTCCCATCCGCC
AGTCAGCCTTATCATTAGCCTACCCTCACACTGGAGCGATTTGGTTTAGGGGGATTTTCTGGTCGGGAATCCT
CATCTGGTTCCATGATTTCTTACTGTGTGGTTGATTTGAAACGGGTCTCTGAGGATTTCTGACTCTTGAACCCAT
GAGTAGTCCGGTA

>trans_s_5500 EF468517|Cucumis sativus catalase mRNA, partial cds

GATTTGGTGGGACGAATCACAGTCACGCCACACAGGATTTGTACGAGTCGATTGCGGCAGGGAATTTCCGG
AGTGGAAGCTTTACATACAGACTATTGATTATGAGGATCAGAATAATTATGATTTTGAGCCGTTGGATACGAC
GATACAATGGCCGGAGGATGTGATTCCGTTACAGCCGGTGGGGAGATTGGTGTTGTGCGGACCGCGGTCGC
CGGGAGGGTCGGAGAATGAGATGTTGGCTTTCTCCATGTCGTTGGTGCCGGGGATACATTATTCGGATGATA
AGATGTTGCAAGCAAGGAG

>trans_s_5501 L36159|Medicago sativa unidentified mRNA, complete cds

AAAATAATGTGAGTTGCTCGCATCGCCGAAGACGAACGAGAGGATGTAGGTTTTTCCAGGGATCGTTCGGAC
GATCTGGGCTATTGCGCTTTCTTTCCCGGCGACTAACTCGACGGCGCGTTTCCCGCTCGGAACGGAGAAATGG
TCGGAATCGATGTATTTGACGGCCTTGAGAGATTCAACCATCCAGCCGGGGATCGGAGAGTGGTCATCTTCGA

TATTCGGTGGGACCAAGACTCCTGATGATGCATTGGGGAACACGTATGGGCCACTTTCGAAATCCCCATTCTT
CACCAGATTATCATT

>trans_s_5502 AY263668|*Genista teretifolia* isolate 535 internal transcribed spacer 1, 5.8S
ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

GGGAAAAATTACTAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCGATTGTG
GCCAGCGAAGGACATTACGCAGTGTCTTGGGGGCAGCGAGAAGCCATCGAATTAGAATGTTGTTCCCATCC
GCCAGTCAATTCCGCTGCCGATTCGTTTCTACACTGGAGCGATTGGTTTAGGGGGATTTTCTGGTCGGGAAT
CCTCATCTGGTTCATGATTTCTTACTGTGTGGTTGATTGAAACGGGTCTCTGAGGATTCCAACCTCAGTCCTT
TGCAGACGACTT

>trans_s_5503 DQ197370|*Tiquilia mexicana* isolate 135 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATAGTGTTACCCGTGGGTAAAAACCTAATCCTCAGAGACCCGTTTCAAATCAACCACACAGTAAGAAATCAT
GGAACCAGATGAGGATTCCTGACCAGAAAAATCCCCCTAAACCAAATCGCTCCAGTGTGAGGGTAGGCTAAT
GATAAGGCTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCTTTTTGGAGTGTCATACG
GCACTTCCTATCAATTGTGGGAGTGTTCGTCATTGGAACGAGAGCCGAGAAATCCGTTGCCGAGAGTCGTTG
TATCGTGGCAGCAAG

>trans_s_5504 Z11512|*L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

ATAGGCCACACATGCAAGTCGAACGTTGTTTTCGGGGAGCTAGGCAGAAGGAAAAGAGGCTCAACGCTTTGT
CTCGCCTTTCAAGGTGGGAAGAGTTGAGAACAAAGTGGCGAACGGGTGCGTAACGCGTGGGAATCTGTATCC
ACTGGATTTAACCCGTTTCAGGAGGGGCTAAAAAGCGCTGTTTGATGAGCCTGCGTAGTATTAGGTCGTTGGTC
AGGTAAAGGCTGACCAAGCCAATGATGCTTAGCTGGTCTTTTCGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGTGT
GCCGGGCCTGAGGGTG

>trans_s_5505 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete
sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGCTTACGATGTT
TTTGGAAGCCCTCGTCCAAATGAGTATTTTACAGAGAGCCGACAAGGAATTCCATTAATAACTGGCCGTTTTG
ATTCTTTGGAACAACCTCGATGAATTTGGGAGATCTTTTAGGAGGACCAAATGACTATCGATAAACTTATCCT
ATTTTACAGTGCGATGGTTAACTGTTTCACGACTAGCTGTACCTACCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGC
ATCGATGAAA

>trans_s_5506 GU248529|*Cucumis sativus* cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

CATGATCATGAAATGCATCTCTGTAAAAATGCTAAAGTTCTTATGTTTTTAATTTGGTTGTTCAACTTTGTTGTT
GTCTTTGGAATGAGGGCTGCCAAATTGGATGTGTTTTGTCAACTTTGGTTGCTTCTTAAAAAATAAATTTGGGT
CAATTAATTTCTCTTTTCTTTTCTCTCTTTGGGGTTGGTGGGAAGATGATGATAGAAAAGTTCTACTTGTAAC
GCCTTCGCTTTCTACTTCCATATCAAAAACCAATTTCAATGTATTATATTCTCTTTGACTTATTGTAATAAAAAA
AAAA

>trans_s_5507 GQ998262|*Ficus* sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 ribosomal protein L16
(rpl16) gene, complete cds; chloroplast

ACCTCGCTAAACAGACCAATTAAGGCAATTGCTTGCTCTCAGAGAGCCTTGAGAGTACAGGCCAAGACAGAC
GAGAGCAAGAATTTGAGATAATTGCTATGCTTAGTCCCAAAAGAACCAGATTCCGTAAACACCATAGAGGAA
GAATGAAAGGAATATCTTATCGAGGCAATAGTATTTGCTTCGGGGAGCGGCGATTTAGGCACTTGAACCCG
CTTGATCACATCGAGACAAATCGAAGCCGGACGAAGGGCAATGACACGAAATGCACGACGCGGTGGAACA
ATATGGGTACACGCAAAA

>trans_s_5508 XM_002322573|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB18), mRNA

GGCTGGCAATAATTGGGCTAAGGGACACTATACTGAAGGAGCTGAACTTATTGATTCTGTTCTAGACGTTGTC
AGGAAGGAAGCTGAGAAATTGTGATTGCTTGCAAGGGTTTCAGGTGTGCCACTCTCTAGGAGGAGGAACTGGA
TCTGGAATGGGAACTCTTTTGATTCCAAGATTAGAGAAGAATACCCCGACAGGATGATGCTTACCTTCTCTGT
CTTTCCATCTCCCAAAGTGTCTGATACTGTTGTTGAACCTTACAACGCTACTCTATCAGTTCAGACCAGCTGGTC
AACGTATCTA

>trans_s_5509 HQ340170|Oryza coarctata ubiquitin 2 gene, partial cds

GAAGACCATCACCTTGGAGGTTGAGTCTTCTGACACAATTGACAACGTGAAGGCTAAGATTCAGGACAAGGA
AGGCATTCCCCCAGACCAGCAGAGGTTAATCTTCGCCGGAAAGCAGCTGGAGGATGGAAGGACTCTTGCTGA
CTACAACATTCAAAGGAGTCCACCCTTACCTTGTCTCCGTCTGAGGGGAGGAATGCAGATCTTCGTTAAG
ACCTTGACTGGAAAGACCATCACTTTGGAGGTGGAGAGTTCTGATACAATCGACAACGTGAAAGCAAAAATT
CAGGACAAGGAGGGG

>trans_s_5510 AY527172|Cucumeropsis mannii voucher PI532721 NADH dehydrogenase subunit F
(ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

AAGGGACGCCTACGAAGGAGAAGTATCTTCTCGGTGGATCCCTCTTGTTCTGTTTAGTCCCCTTCGTTTCGG
AAGTGGTTTCTATTTCTACATCTGTTTCTTCCTCGCTTTCCCCCTTTTCTCCGTTTCTGAGGTTTCTTTCAGTTTC
TTAGTAAGAATGGGTGACGGTATTCTGCCTAAATAGTAGACACAGGTAATAAATAAGAGAATACTAAAGATTT
GAGCCATAGAATTTCTCAATTCTGACTGTTCCATGAATAATGTTGCTGAGAGCCGTTGCCTATAGAGCCGAGA
GCGTAG

>trans_s_5511 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GTGAAAGGGAGAACTGCGAGGAGCCAACCCTAGTACGAGAGGACTGGACCAAATTGGTCCATGGTGTACCG
GTTGTTATGCCAATAGCAGCGCCGGGCAGCTAAGTTGGTATGGAAGAACCGCTGCGCCGCGGGAAATCCTTC
TCTATACAAGTTCTCGGACGAGGTTTTTGAACATCACTTCGATAGGCGAGAGGTGTAAGCACCGCGAGGTGTT
CAGCGATCTCGTACTAAACGAAAGGACTTGCACTTTCCCATAACCAAAATGGGGAGGGACTTTGGATAAGG
ACGTTAACGCCAGTC

>trans_s_5512 AY148193|Synthetic construct thioredoxin/transketolase fusion protein gene,
complete cds

CGACAGTGTGAGGGAGGAGGACTTGAAGAGCTTCGTCAGTGGGGAAGTCGAACGCCTGGACATCCGGAGA
ACTTTGAGACTCCTGGTGTGAGGTTACAACCTGGTCTCTTGGACAGGGAATTGCAATGCTGTTGGTCTGGC
CCTTGCTGAGAAACACTTGCTGCTCGGTTTAAACAACAGACAGTGAGGTTGTCGACCACTACACATATGTT
ATATTGGGAGATGGCTGTCAAATGGAGGGAATTGCCAATGAGGCTTGTTCTTTGGCTGGTCACTGGGGACTA
GGAAAGCTTATTGC

>trans_s_5513 EU002519|Liquidambar styraciflua RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, complete cds; chloroplast

GCGTGTCTGGTGAAGAAGCGATCTGTTACCGAGCCGTATTATTGGGAATAACGAAAGCATCTCTAAATACTCAA
AGTTTCATATCGGAAGCAAGTTTTCAAGAACTGCTCGAGTTTTAGCAAAAGCCGCCCTCCGAGGTCGTATCG
ATTGGTTGAGAGGTTTGAAAGAGAACGTTGTTCTAGGAGGAATGATACCAAGTTGGTACCGTCGGACTCTCATT
AGCGCACCGTTCGAGGCAACATAACAATATTCTTTAGAACCCCCCCCCGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
GGGGGGGGGGGGGG

>trans_s_5514 AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

TCGTCTATGATATGAGACAAAAAGAAGAAATGGCAAGATAATTTGTGTATACCAATGGAGGAAATAAATAA
AAAATGTGGAAAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAACACTGTAGACCAATTGAAAGGGATGTAGCGCAGCT
TGGTAGCGCGTTTGTGTTTGGGTACAAAATGTCACGGGTCAAATCCTGTCATCCCTACCATAAACTTATCTTCT
GAACAGACAGTGCCTGACCCACACTGTGGCGTTTTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATC
GCTCGGTGGGA

>trans_s_5515 NM_001056658|Oryza sativa Japonica Group Os03g0352400 (Os03g0352400)
mRNA, complete cds

AAATCAGATGGCGAAGAAGAAGGAAAAGAAGGTAAATGTGTCTGGGAAACCAAAGCATTCTCTGGATGTCA
ACCGAAGCAATGAGAAAAACAAGATGGGCGTAGTGCCGCCACGGTGCGACGACTCAAGATGTATAATACG
AGGCCAAAACGTGATCGGAAAGGAAAGGTGTTGAAGAATGACCTTCAGTCGAATGAGTTACCTGACACACGA
ATTCAACCCGATCGCCGCTGGTTCGGAATACCCGAGTTGTAAACCAGACCTCTAGATACTAACTTACAGGA
GAGAACTTTTTGCCT

>trans_s_5516 GQ998602|Plumbago auriculata voucher FLAS:M.J. Moore 306 cytochrome b6
protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

GGCTTAGCTGACCTGCGAGAACTAAGCAAATATGATGGTCTTAATGATGATCCTGCACGTATTTGCGGTGTA
TCTTACTGGTGGATTTAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGGTTACAGGTGTGGTCTGGCTGTATTGACCGCAT
CCTTTGGTGTAACTGGTTATTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGGGCAGTCAAATTTGTAACAGGTGTA
CCGGAAGCTATTCCAGTACCGAGTGCCTCTCACGCCCGGTGCTACTCATAACCGCATCAGGTCTCCAAGGTGA
ACAGCCTC

>trans_s_5517 X80170|O.berteriana rpl2 gene

GAAGAGAATGATTACGATCTCGACAAAGAGACAAAGCCAAGAGGGGAGAGCACTTAGACAATTCACCTTGAG
TACAGGGAAGTCCGCTGGTAGGAATTCCTCAGGGCGTATTACGGTTTTTCGCCTCGGGGGTGGATCGAAGCG
ATTGCAGCGAAGAATTGATCTGAAACGAAGCACTTCGTCTATGGGCATTGTGGAAAGAATCGAATATGACCCT
AATCGTTCTTCTCGGATCCATCTAGTACGATGGATCGAGGGGGTCCGCCTCTCCTTTACGTTCTGAGACTCTTG
ACCTGAGAACT

>trans_s_5518 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

GGCGAACACTCATCGTTTACGGCATGGACTACCAGGGTATCTAATCCCGTTCGCTCCCCATGTCCCTATGTTTT
GATGTCGGTAGGGACCCAGAGAGCTGCCTTCGCTTTTGGCCTTCCTTCGTAGATCTCCGGATTTCACCCCTACA
CACGAAATTCACCTCTCCTCTGTCTCACTCAAGTGAATGGGTTTCGAGAGCACCTTGTTGACCCCAATAGTCC

AGGTCCCTGGTTTAGCCGTGCGCCTACGTGCCCTTTACGCCAGTCATTCCGAAGAACTTGCCCCCCCCTTC
TTACTC

>trans_s_5519 DQ455620|Ficus tettensis isolate FTE-9 glutamine synthetase (ncpGS) gene, partial
sequence

AGAATGTAGTTCTCCGACGTCCAAATGGATCATGTAAATGAAACTCTGGATAGCGAGGAGAACGTTCTGCTA
GGCCTCACCCGTTTCGATCCAGGACGGTCCGTGCCCTAGCTCGCACCCCGAACGTTCTATCATTTATGTGTGTA
CAAAGGGCAGGGACGTAGTCAACGCGAGCTGATGACTCGCGCTTACTAGGAATTCCTCGTTGAAGACCAACA
ATTGCAATGATCTATCCCCATCACGATGAAATTTCTGGGAGCCGTTTAAATAGTGATTATGGGGCTATAGACTC
GTGGTCCGCA

>trans_s_5520 GQ997038|Antirrhinum majus voucher FLAS:M.J. Moore 314 ribosomal protein S4
(rps4) gene, complete cds; chloroplast

ACCTCCCCACCCCGGTATGGGGACAATATGGTCTTACAGAACGACAATTACTTAAATACGTTCGTATCGCCG
GAAAAGCCAAAGGATCAACGGGTCAAGTTTTACTACAATTACTTGAAATGCGTTTGGATAACATCCTTTTTCGA
TTGGGTATGGCTTCGACTATTCTCAAGCCCGACTTAATCAATTACATAGACATATTTTAGTTAATGGTTCTATA
GTGGATATACCAAGTTATCGGTGCAAACCCCGAGATATTATTACAGCAAAAGATGAAAAAAAAATCGAGAACA
CTGATTC

>trans_s_5521 X62339|N.tabacum mRNA for ribosomal protein L12

CGAGCTTGGCGTTGAAGGAAGCGAAGGAGTTGATTGAAGGTTTGCCGAAGAAGTTTAAGGAAGGAATTTG
AAGGAAGAGGCGGAGGATGCGAAGAAGCAGCTTGAAGAGGCTGGTGCGAAGATTGCTATTGTTTGATTTG
CTGGTTAGTTTCTTCAATTCTTAAGGTTTACAATGTAGGCATTCTGGTGGAAGTAGAGTTGGCGTTTATTATTAT
TTTTTTTTTATCATTAAGTGAAGAATTTGTTGATATTCTGCTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_5522 AY063539|Ficus variegata 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; and external
transcribed spacer, partial sequence

TGGGTGGACAACGAACCCGATAGCCCGCATCGCGTTCGCCTTGACATCTTCGGTTGTCATTGCGGGCCGCGT
CGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTGCGTGGCATGATAAGTCCCTCGAAACGTGTTGCCTTTGCTC
ATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCGTATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGCATGCATGCGGGCTGT
GACGGAACACGAGAATGCTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATCGT
ACTGTAAG

>trans_s_5523 AF309152|Argyreia capitiformis internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

CCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTAATCCTCAGAGACCCGTTTCAAATCAACCACACAGTAAGAAATCAT
GGAACCAGATGAGGATTCCCGACCAGAAAAATCCCCCTAAACCAAATCGCTCCAGTGTAGAAACGAATCGGC
AGCGGAATTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCTTTTTGGAGTGTACATCG
GCACTTCCTATCAATTGTGGGAGTGTTCGTCATTGGAAAAAAGGAATCCCTGGAGTGCCTCGGCCAGAA
GGCTCCGGGG

>trans_s_5524 AB435244|Cucurbita maxima CmPhoH1 mRNA for alpha-1,4-glucan phosphorylase H
isozyme, complete cds

CAGGAGGAAATAGCTGAGGATTGGCTTGAGAAGTTTAGCCCTTGGGAAGTTGTCAGACATGACATTGTTTTCC
CAGTCAGATTCTTTGGTCATGTGGAGGTCAAGCCTGATGGATCCCGAAGATGGATTGGAGGAGAGGTTGTAC
AAGCTTTAGCCTACGATGTACCAATTCCAGGATACAAAACCAAGAATACCATTAGTCTTCGCTTGTGGGAAGC
AAAAGCACGTGCTGATGATTTTGACCTTTCCAATTCAACGATGGACAATATGAATCTGCTGCTCAGCTTCATC
TCGAGATCT

>trans_s_5525 AP009373|*Draba nemorosa* chloroplast DNA, complete sequence

TCTCGCTGATACATGCCGTCACTCGCACAGCCATATTATTAAGCTTGTGGTAAGAACGGGTTTCGTTCTAGT
GCCCCAAAATAATATCCAAAGCTTTGTATGTTCTCCGTTCTTGTGTGGATAAGACCTATGTTATAGAGTAT
ATAACTTCGATCATAGGGATCGATTTCTAGTCGCATAGCTTACAGGTCTGACACAAGGTTAGAATTCTAGCTC
TTCCAGAGTGGTATCTCACTGATGGCTCGGGCCCCCGGAAAAAAATTCCTCTCGCCTTCCACCTAAGCTGCG
CAGG

>trans_s_5526 XM_002311983|*Populus trichocarpa* light-harvesting complex I protein Lhca1
(Lhca1-2), mRNA

CGCTGTACGAGATGTTTTCGTTACATTTCTTGAGTTACTGGTTTTTGGTGGGCAAAGTTCCCATGGAAGTGG
TTGTCCAAGTATGTAGCTTGGCCTCCTGGAAGTCTGCCATTCTTGAGCTTTCACCCAGTTGCCAATCCCAA
AGCCTCAGGTACCAAAATCCCTGGAACAGCAAGCATGGCCATCTGCAGTGAATTAGCTCAGACTCCTTGAAT
CTCTCGAGGTTCTCTGGCACTTCTCCAGCCGACAGTAGAGTTTAACCAGGAAGAAATGTAAAGAACGAGAGT
TGTTG

>trans_s_5527 X06595|Tobacco mtDNA for ATPase subunit 6

GATGGCCGGTCATAGTTTAGTAAAGATTTTAAGTGGGTTTCGCTTGGACTATGCTATGTATGAATAATCTTCTCT
ATTTCATAGGAGATCTTGGTCCTTTATTTATAGTTCTTGCAATTAACCGTTTGGGAATTAGGTGTAGCTATATTAC
AAGCTTATGTTTTTACGATCTTAATCTGTATTTACTGAATGATGCTACAAATCTCCATTAATAATGTTATTTATT
TATAATTGAACAAAAGCGAGGCTCCGCAGCCAAGCGTTCGCTCGACCAACGAGGGGTGAAGAGCTCTGAT
TTC

>trans_s_5528 EF595936|*Cucumis melo* isolate 2007-B29 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence;
chloroplast

AAACAGGGACAGTCGGGGGCATTCGTATTTTCATATGAAGAGGGGGAAGGAATAAGGGATCCATGGATAAAG
GTGGAATTTTTTCTAATCGTATGATTTAGAAGTTAAAAAGAAACAATAAGGGAGATTGAAGCAAAACAAAAT
AGCTATTAAACAATGTCTTTGGTTTACTAGAGACGTCGACATCGTTTTTTTAGCTCGGCGGAAACAAAATACTT
TTCCTAAGGATTATATTAAATAGAAATAAAAGGGCTTTTAAATAACTGGAAAGATTGTTATAATCTCCTCTTTG
CGCTTTTCG

>trans_s_5529 AY104005|*Zea mays* PC0062854 mRNA sequence

CCGAAAATGCTACTGTAGAGGGAAGCGAAGAAGATGGTTTTAGAGACCTAGTTCGACATACTATGTTTGAGA
AGGGTCAAAGTAAACGTATATGGGGTGAGCTCTACAAAGTAATCGATTCTTCAGATGTTGTTGTCCAGGTTCT
AGATGCAAGAGATCCACAAGGAACAAGGTGTTACCATTTAGAGAGACATTTGAAAGAGCATTGCAAGCATAA
ACACGTGGTTCTTCTGTAAATAAGTGTGATTTGATTCCTGCTTGGGCAACAAAGGGATGGCTTAGAGTGTTA
TCTTTTCTTA

>trans_s_5530 X69140|*O. berteriana* mitochondrion DNA for ribosomal proteins S3 and L16

TATGGCATTCAAAGTTGTAGAGCTGGTCGTCTTTCATATCGAGCCATTGAAGCAGCGCGTCGGGCTATAATCG
GACAATTCATCGTGCTATGAGCGGACAATTCCGAAGAAATGGTCAAATATGGGTCAGAGTTTTCGCAGATCT
CCCTATTACCGGGAAACCTACAGAAGTCAGAATGGGAAGAGGAAAAGGAAATCCTACGGGTTGGATTGCTCG
TGTGTCCACGGGACAAATCCTATTTGAAATGGATGGTGTGAGTTTGTCAAATGCTCGACATTGGAGTGTGTTG
AACCATGTG

>trans_s_5531 CP000597|*Ostreococcus lucimarinus* CCE9901 chromosome 17, complete sequence

AGTTCGAAAGGAGTCAACGGGTTTCGCACTTTCATTCGATGTTTCATGCATTGCAAGAATGAATTGGTTTGTGCC
TTAATTCAGGCGAACTCCTTCTGGTTTTTCATTCGCTCTTAATGAGAAGATTAAGTAATTGTTCCACGCAGGGAA
TGAGTTAACAGAAGAAAGAAGCGGAATGAGTTCCACACCCTTAGAAGTCTCACTACCCTCCAGCTTCAGATA
GAGAAAAAGAGGGATTGCTCCCCCAAGGACTCAGTCACTCCCCCAAGCATTCAAAATTCAGTCGGTCTCTCT
CCCCCTA

>trans_s_5532 Y07940|*S.selaginoides* chloroplast rbcL gene

TACGCTAAAGGGTCATCATTTCTTCGCATGTACCTGCAGTAGCATTCAAGTAATGTCCTTTGATTTACCTCAAA
AGTCGGACACTAAATTTTATCGAAGGCGTGTTTTAGGAAACGGTCTCTCCAACGCATAAATGGTTGGGAAT
TCACGTTTTCATCATCTTTGGTAAAATCAAGTCCACCACGTAGACATTCATAAACTGCTCTACCATAATTCTTAG
CGGATAATCCCAATAAACCAAATTATCATGTAGGGTTATCTCCCGCTGGTATGTTGTTCAATTTATCTCTTTTCA
C

>trans_s_5533 AB003142|*Arabidopsis thaliana* transgenic line C DNA

TCGTCTGCAATATGAGACAAAAAAGAAGAAATGGCAAGATAATTTGTGTATACCAATGGAGGAAATAAATAA
AAAATGTGGAAAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAAACTGTAGACCAATTGAAAGGGATGTAGCGCAGCT
TGGTAGCGCGTTTGTTTTGGGTACAAAATGTCACGGGTTCAAATCCTGTCATCCCTACCATAAACTTATCTTCT
GAACAGTGTTGTGTGTTGGTTGTGGTACCCGCAAAACAGCATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAA
TCGCTCGG

>trans_s_5534 AF206860|*Balanops vieillardii* 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

ACATTTGTCATTTCTCGCCGAAACCTAGCCTTAGAGAAAGATTCAGAGAAACGGCTACCACATCCAAGGAAGG
CAGCAGGCGCGCAAATTACCCAATCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCCGCCACATACCGGGCTGAAGC
AGTCTGGTAATTGGAATGAGTACAATCTAAATCCCTTAACGAGGATCAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAG
CAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGACCTTGT
TGGTGGTC

>trans_s_5535 FJ911553|*Cucumis sativus* sedoheptulose-1,7-bisphosphatase (SBPase) mRNA,
complete cds

GGAGTGTGGCCAGGTGATAAGTTGACTGGAGTGAAGGGAAGTGACCAAGTTGCTGCTGCCATGGGAGTTTA
CGGGCCTCGCACGACATACGTTCTTGCTCTGAAAGACTTTCCTGGCACTCACGAGTTCCTTCTTCTTGACGAAG
GCAAATGGCAACATGTTAAAGAGACAACAGAGATTGGGGAAGGAAAAGTGTCTCTCTGGAAATTTGAGGG
CCACATTTGATAACCCTGACTATGACAAGCTGATCAACTACTATGTGAAGGAAAAATACACATTGTCCATGTGT
CCTCCGGC

>trans_s_5536 X56233|*P.deltoides* mRNA for malic enzyme

TGGGTTGTTTCAATTTGAGTTTAGTGATCTGGGATGGAGAGTACTTTGAAGGAGATCGGCGATGGCGGTTCT
GTGTTGGATTTGGACCCCAAAGCAACTGTTGGTGGTGGTGTGAGGATATATATGGAGAAGACTGTGCTACA
GAGGAACAGCTTGCTACTCCATGGACTTTCTCAGTCGCTAGTGGCTATTCATTGTTGAGGGATCCGCATCATAA
CAAGGGGCTGGCATTACAGAAAAGGAAAGAGATGCTCATTATTTGCGGGGGCTTTTGCCACCTGCCATTGTT
ACTCATG

>trans_s_5537 Novel Gene

TACGATTTATTTATGAACTTCAAAAGACAACCTCGAAAGGGAACATAACATCAAATCAATAAACAGATAAACAAG
AAACACATCAAGAACCCTAGGACCCCAATACTTTCTAGAGGGCAAGAAATCTTTTCCACAAGTTCGACTTGTT
CATCAAACCGAGACTTCTTATAAATTCCTCTTCCTATCAGGCTCCACCATTCAAACAAAACCTGCACTATACTCT
AATGATTTATCTCGTTCAAGTTTCAGTATGAGCTTTGACTGTGTTTAATTTATAAAATTCTCTCTATGAATACA
A

>trans_s_5538 FJ895887|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf2 (ycf2) gene, partial cds;
chloroplast

AGAGCGCGATCTTAGGCGGGCCAGGCGTGCATGCCGGGATACGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGC
ACTTTTTCACTCTTTCATATACTAGGGGATTTGCTTGGAAAAGAAAATGTTCCATACTAATGGATTCGGTTCCA
TAACCATGGGTTCCAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCGATTAGTATTACGCAGAA
GAAATCAATTATAGACACTAATATAATTCAATCTGCTCTTCATAGACAAGAGGTCTCGGGCGATGGGGTGTGC
CAGCT

>trans_s_5539 AB237193|Juglans mandshurica var. sachalinensis chloroplast rps16 gene, partial
sequence, isolate: AONIG2698

GTACGTCGAGTCTTACGAAGCCACTCAATTGCTCAGGTCCAGAGTGGGGACTCTTGGAAGTTCTTAGTACATG
ATGGAGCTCGAGTAGAAAGTATTGATTCATTTATCAAGGGCAGAGATCTAGGGTTAGTGTCAATCAATAAGTT
AAAACACTTTCGTAAGTATAGGTTCCGTATACAAATCGAAAGGATCCAATTCGAACAAGTTTCAAATTCAAAC
ATCACATTGGATTAAAAGTGTATCACACGAGAATCCATTATTTATATGATTCTTTGATAAAAAGGAAATCAAAT
TTTTA

>trans_s_5540 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

CGTTCAGCTCCACCCGCAGGGGCTTCACCTACATATCAGCGTGCCTTCTCCGAAGTTACGGCACCATTTTGCC
TAGTTCCTTCACCCGAGTTCTCTCAAGCGCCTTGGTATTCTCTACCTGACCACCTGTGTGGTTTGGGGTACGAT
TCAATGTTACCTGATGCTTAGAGGCTTTTCTGGAAGCAGGGCATTGTTACTTCAGCACCGTAGTGCCTCGTC
ATCACACCTCAGCGTTAAAAGGTACCGGATTTACCTGGAACCTCCGCCTACATGCTTAAACCGGGACAACCGT
CG

>trans_s_5541 Novel Gene

AGGTTAGATGTTTTATCCCTTTCACTTTTCTCAATTTCTATCTTATGAAAATTTTCCCTGTATCATTTTGGTCTGCC
CTGTAAGTGAAGTGAAGTGGAGTAAGAAGTTCCTCTTAGGAGATTTGTATCTTCTGATTGTATCCGAGTAAG
TCGTTTAGTGTAATGTTGTTCTGAAGATTAGCAGTATTATGTATAATTCTTATTTTCTACTACCAATGTCA
ATGACCTAATAAAAAGATAAACTTAGAGGTGTTTATCCCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_5542 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

GTCCATTGTAGCTATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAACTTAGAAATGGAGAGCAAATTGAAGAAATGACCT
TAAATCTTAGTGTCTGACTCCGAATCGAATTATTTGGGATTGAGAAGTGAAAGAAATCATTTTAGTTACGAAT
AGTGGCCAAATTGGTGTATTACCAGATCACGCACCTATTGCCACAGCTGTAGATGCGAACGCCCACTTTGCGT
ACCTTACTCCTAATGATGGATGGTTAACGATGGCTCTGATGGGTGGTTTTGCTAGAATAGGCATATTACTCGTC
GGAGA

>trans_s_5543 Novel Gene

TAACTTCGGAACGATAGGGCCTTCCACTAAACGCCTGAGCGACCTGCACGAATGGTGTACGACTGCCCCGC
TGTCTCCGACATGGACCCGGTGAAATTGAATTCTCCGTGAAGATGCGGAGTACCAACAATCGAGTAATAAGAC
CCCGTGACCTTCACTATAGCTTCGCAGTGACAACCTTGATCGAATGTGTAGGATAGGTGCCTCACAACAGTG
TGTGACAATCCATCCCGAACTTGTTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACTGTAGGGGAGGTCTGCGGAC
CAATG

>trans_s_5544 X57101|S.bicolor mitochondrion mRNA for ATPase subunit 6

CCCTGAAGCCCATAAAAATGAAATCCCACTATAGTAATACCAATAAAAAGAGAAAATGAGAGACCCAAAGTA
ATGAGAAAATGACTTGTCACTGTGAAGCTATAAGGTATCATACCCTGAAGATTACAAAATAACAAAAAAGTCA
AAGTGACCAAGATGCAAGGGAAAACTTTTGTTTCACATTTCCGGAAAGACCACCTATTTGTTGTTTACCAGG
TTCAGGACGAAATCATAAATAAGCTCTACCAAGGATTGCCAAGCATTGGTACTAAGTTTCCTCCTCCGTTTT
AGTA

>trans_s_5545 FJ598076|Triticum aestivum x Lophopyrum elongatum isolate 2-4 omega-gliadin
pseudogene, partial sequence

TGAGTTGTTGCCAACCTCATCATTTCTTTCCTTAATTTCTTCATCTTTTTCCCATTTCCGTTTCTTAAGGACTGGGA
GCTGCCACTTTGTTTTCAATCCACAATAATCATTATGGCCACCCAACTCTTGATTCCCATCAAACCTTCTACAAC
CGATGAGGAAACGGAGAAGATCAACAGTGAATCAGTAAAAGTAGCGGAGCAAATACATTTCTTTCACCACA
AGAAACTGTAGAAGATGACAGGGAGAAAGGTAGGGCTGACAACTTACATGTTCCAAATAGTACTTTGTGCT

>trans_s_5546 Novel Gene

AGAAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCCGACAAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGTGGGCGCG
GAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGGTAATTTACATACAGGTGCT
GCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTCTGAGATGTTTGGTCAAGTCCTATAACGAGCGAAACCTCGTTTTGTGTT
GCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGCTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTAT
TTGCC

>trans_s_5547 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

CCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTGGACGAGGGCTTCCAAAAACATCGTAAG
CTAAACCCGTGCTGACGAATAACCAACCTGCAATGAATAGAGAAGGTATAGTAATGCTATGAATGACCCAGTA
TGCTTAAGTGGTGATAATATCAGCAAAAGAACGTTCTCCTGTGCTTCCAGACATGCCGAGCTCCACATATTCTT
GTACAGTCAAAAGGGGGATCGATTCCGTAAAACCGATGCCTCTAATCATTGGCTTTACCCGATAGAACTCGCC
CGC

>trans_s_5548 AY173934|Cucumis sativus ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

TACAGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCAAGTTCGGGATGGATTGGGGTTGTCTCGCGATCCCTTCT
ACAGCTTGGCCCGCAGCAGTACCTTGACCAATCCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCCGACGGCCAACCCAGCA
GCAATAACGGAAGCGGCAGAAATCAGTGGATTGATGATAAGTTCCTCACACCAAAAGAAAGAAATGGTTAAT
GATACAATCAACCAATGAATTATAACTTATTATTCCATCACTAAGATTTATCCAATAAAAAATTACGAATTGAAG
TTTT

>trans_s_5549 AP009373|Draba nemorosa chloroplast DNA, complete sequence

TCGTCTGCAATATGAGACAAAAAGAAGAAATGGCAAGATAATTTGTGTATACCAATGGAGGAAATAAATAA
AAAATGTGGAAAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAAACTGTAGACCAATTGAAAGGGATGTAGCGCAGCT
TGGTAGCGCGTTTGTGTTTGGGTACAAAATGTCACGGGTCAAATCCTGTCATCCCTACCATAAACTTATCTTCT
GAACAGTAACAGCCTGATACCCACAGCAACGCAAAACAGCATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAA
TCGC

>trans_s_5550 NM_001068334|Oryza sativa Japonica Group Os08g0413100 (Os08g0413100)
mRNA, complete cds

ACTGAATCTTTTGCTTCAGTTCAGTCCATCTATAGGTTTTCTGTCTTCTTCAAAATCAGGAGTATAATACCACTT
TCCTACAGCTACTGGGTCAGAGGATTTGCAGGGGAGTGAGAAGTTGAGGTCTGGGAGGCGGGCTCGGAGTT
GGGCGTTGAGGCCGTGGGCTGGGGTGGGCTCGAGGAAGTTGTTGAGGGGATGGATATAAGCTCGCCAGCCA
TTGCGGCTTAGACGTAGTGGAGGAATCCCGTCTTGAGCCACGGAGTTGCATATGAAACCAGAGGCTCCTCCAC
AGT

>trans_s_5551 XM_003074558|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g05410) mRNA,
partial cds

TCGGTTGCTGGCTTGGGTGTGCGGTGAGGTGGGGGATGGGCTTGCTTGGATAATGCTTGACCTCGTTGCGG
GCGTGTCTCGGCATGCTTCTCTGTCGAGACTGGACATGCTGCGATCGATCCCCGTTTGACGAAAGGGCTC
GTCCCATAAATGACGGTGTTTCGGTTGCAATGTTACGTGGGTTACACAATGCTCATATCGAGCGCGCACG
ACGTTCCGTGCTCGGCCTCCGCGCCGCTGTCTGCAGCCCAAGTGCAAATCCCAATCCACAGGTGGGTGAAACT
CTT

>trans_s_5552 NM_128560|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family
protein (AT2G30050) mRNA, complete cds

CTGGAAGGAAGGAAATCAAAATCAATGGTCTCAGGCTCATGTTTTAGTGACACAAGTCTTCGGTGAACTCT
ATTGCCTGGGCACCACATGAACCTGGCCTCTGTTTGGCCTGTGGATCATCTGATGGAAGTATATCGGTTTTAT
TGCCAGATCTGATGGTGGCTGGGACAATAATCCAATTGAACAAGCCCACCCTGTTGGAGTAACCTCACTTTCA
TAAGGCCCTACGACCGCTCCTGGTTCCTTAGTTGGATCCAGCTCAGAGGACCCTGTTTGGAAGCTAGCTCCG
G

>trans_s_5553 L43359|Pterosperma cristatum large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast gene for chloroplast product

GGGCTAGCCTCAAGATGATGAGTACTGGAGGTAGAGCACTGATTGGACTAGGGGCCCTACCGGGTTACCGA
ATTCAGTCAAACCTCCGAATGCCAGTTACTTAACTTGGGAGTCAGACTATGGGTGATAAGGTTTCATAGTCGAA

AGGGAAACAGCCCAGACCGCCAGCTAAGGTCCCAAAGTATACGTTAAGTGGAAAAGGATGTGGAGTTGCCCA
GACAACCAGGATGTTGGCTTAGAAGCAGCCACCAATTAAGAAAGCGTAATAGCTCACTGGTTCGAGTCGGCC
TGCG

>trans_s_5554 EF530141|Actinidia deliciosa cysteine protease Cp1 mRNA, complete cds

AGCAACTGCATGTTTCAATTCATCTTCAGCGCCAAGAGTGATGTTACAGAATCAATAACTTGTACTCCAACAT
TCTCAGAGACGAATTTGCATTTGCCGTCTTTTCCAGTGTAAGGATATGCTGCTTCAGTGTCAAGGCCACCATTG
TACTCGGCACGTCTGGGGATCCAAAGGAATGACTTGTGCCATGATTGGGACCACCGGGTTTGGAAAGAAAA
CCAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTTCGGCCTGATCTTAGGCCCTG

>trans_s_5555 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

AGATAAAATCTGATAAAGGCCCATCTTATTTATTAAGACAATAAACCCGTTGTTACGCTTCACATCAAAGTTA
GCTATAGTACTTAATTCTTTTTCTTTGCTTTAATGCCTATTGGTGTCCAAAAGTACCTTTTCGAAGTCCCGGA
GAGGAAGACGCATCGTGGGTTGACATATAACAACCGTGGGTCAGATATATTGGGTCATATGGTATTTCCCCGTT
CTCTCCCCGATCGAGATATCTCTCTTCGCCCAAGACGGATTGATTTAATCATCGAATCGGGCCTCGCT

>trans_s_5556 XM_002880682|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alpha-vacuolar processing enzyme
(ALPHA-VPE), mRNA

TCAAGCATAACGACCGCATTTGAAAGACAGAAGTTTATGTGATTATCACTGTCTTCCAACCAAGCAACACTGTA
CAAGTCACCCAAGCAAGTATCATACTCTGGTGGAGGACCAGGATAGTCCCCTGGACAATAAGTACCCCAACTG
CTTTCATAAGCATTTGATGCAGTTGTTGTATAAATGTTCAAACCTTCAGGAAGAAGGCCTTCAAAGATACTTCC
TGATTCACAAGCTTCGAGATAGAATACCAAACCTTTGTAGGATCCAGCAGCATGCTCCTTCTTTAGAACTTC

>trans_s_5557 AJ430971|Carpodetus serratus chloroplast tRNA-Leu gene for transfer RNA-Leu and
partial tRNA-Phe gene for transfer RNA-Phe

TCTCATCGAGGATCGGAACACGCGCAAACTTCCGATAGAGAAGAGAGAGATGAAAGAAGATAGACAAGAAA
TCCAATAGGAGGAAACACTTTTCAATAGAGGAATCGGTATTCTAATGACTTGAGTGGTTCCAGTATAATACAA
ATGAAAGAAAACGGGGAAGGACATCATAATGCGATACTAATCTTAAAGAGGGGGATATGGCGAAATCGGT
AGACGCTACGGACTTAGCCGAGCCAGATTCCAACGCAAGGGTTCGTCGGACAGCGGTCCCTGGGCCTGAGAG
GGTTT

>trans_s_5558 GQ998228|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 clp protease
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

AAGAGGAGGCTGATCTTATTTTCTAGGGTATGAAGCGGCTAATCCCATGCATACTGTCTGTACATGTGGTTGC
ACAAATTGCATAGTATCATAAATACCTAATCCGCTTATTACCCCTCCACCGGGAGAGTTTATAAATAAATACAG
ATCTTTGGTATCATTCTCCATACTGAGATATACCATAAGACCAATAAGCGTGTCACTACCTCCCCGTGTCAGGA
TTGGGTAATTTGCGCGCCTGCTGCCCTTCCTTGATGTGGTAGCCGTTTCTCAGGCTCCCTCTCCGGAATC

>trans_s_5559 AF036499|Peltoboykinia tellimoides large subunit 26S ribosomal RNA gene, partial
sequence

CGATACTGTAGGGGAGGTCCTGCGGAAAAATAGCTCGACGCCAGGACACAAGGTTTTGCTACTTCAGGTTTTT
TAACTGAAATGCATCAATCCCCACTATTAGTTCGCTCTCCAATCTCATTGGTTAATATCTTTTAACAGATGTG

CCGCCCCAGCCAAACTCCCCACCTGACAATGTCTTCGCCCCGGATCGGCCACCGAAGTGGGCCTTTACAGGG
TTTTTCTTTTTACTGTAAAATATTCCGTTTCACGGAATAAGTAAAATAACGTTAAAAGTAGTGGTATTTC

>trans_s_5560 GQ998743|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 NADH-
plastoquinone oxidoreductase subunit K protein (ndhK) gene, complete cds; chloroplast

AGACCAGGACTCTGACCGTATAGATGCTATAACAAAACCTTCGTAAGAAAATATCTCGAGAAATCTATGAAGAT
CGAATTAAGTCTCAAGAGGAAAATCGGTGTTTTACTACCAATCACAAATTCATGTTGGCCCAAGTACTAATAC
TGGAATTACGATCAAGGATTACTCTATCAACCATCATCTACTTCAGAGATCATCCCTCCTGAAACTTTTTTCAA
ATACAAAAGTGCAGTCTCTTCTACGAGCCGACGGCGGCTATTACGCGTGAAAAATGATGTCCCCGCCACC

>trans_s_5561 DQ168976|*Cicuta virosa* voucher Lee & Downie 2420 PsbI (psbI) gene, partial cds;
PsbK (psbK) gene, complete cds; tRNA-Gln (trnQ) gene, complete sequence; and Rps16 (rps16) gene,
complete cds; chloroplast

CTAACTAGTTATAAGATCAGATAAGTTGTACATACAGTCTGAAGCTTTAAGTTGAATCCAATATTGAAATTATT
CTATAGCTGTGATAAATCTGGATCACTCTCATTTTCTTATTCTTACTTTTTTCTTTGAACGACCCTCTTCGAGTC
CCCCACAATATAGAATTGTGGGTATGAAATCCAATTTTGAGTAATCAAGGACTCAACTCTTAAAAATTTTTCTTA
TTTATAGAAATAACTTCACTGCATTTCTTGGTGTCAAACCAGATTAGACGCTGTCCTGTATTGTCTC

>trans_s_5562 EU434029|*Stichococcus bacillaris* strain SAG 335-3 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

GACAGTAAGAGATTAGGGGGGATCGGATAGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACATCCAAGAGAATG
AGCAGGCGCGCAAATTACCAATCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCCGCCACATACCAAATCAGGATG
ACTCAACAATTGGAATGAGTACAATCTAAATCCCTTAACGAGGATCAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCA
GCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGACCTTGTTG
GT

>trans_s_5563 Novel Gene

CGCGCTGGCACCTCACTCGGCTCCTCGGCGAACTTCGGTTGCAAAGACTTGATCCTTAGGCGCATGTCTCAGG
TTGTGTTTTGCTCCCAAAGCGAGCAACGCCCTGAACCAACAACACTCTACGGCACGAGCTGACGACAGCCATG
CACCACCTGTGTCCGCGTTCCATCCCGTTAAGGACAGGTTTTCTTGTTTCATATGTCAAGGGCTGGTAAGGTTTC
CGCGCCACATCGAATTAACCACATGCTCCACCGCTTGTCGGGGCCCCGTCATTTCTTTGAGTTTCT

>trans_s_5564 Novel Gene

ACCTATTGTTCTACGTGTTGGGCCGATCGCGTTTGCGCCAAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAA
AACCTGTCCTTAACGGGATGGTAATTTATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTCGTGAGATGTT
TGGTCAAGTCCTATAACGAGCGAAACCTCGTTTTGTGTTGCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGC
AACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCGACTAATTGAGTGCCACGTGCATCTGTCAAGT

>trans_s_5565 AF479199|*Valeriana officinalis* 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GATTGCCGACCAGCAGTAGGGGCCTTCGGCCCCAAGGGCACGTGTCGTTGGCCAAGCCGTCTGGGCGGAA
GAGCCCCGTGCGCCGCTTGAAGTACAATTTCCACCGAGCGGCGGGCAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATA
CGCGACAGGGTATTTGCAGTGGTCCGAATCCATCCACCCGTGGTCCGTTCCGATGCAACTGAGGGGACTGG
GGGTTATTACTCATTTTTGTACTTGCTGTTTTATTTCCAAAATAAAGAACAATCTGAGGGTCCATACCTGGTA

>trans_s_5566 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV) gene, partial sequence; chloroplast

TTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCACTCGTTCCTATCTTATGAACAACTTTAAGGTG
TATGAAGTTTCATATTTTATTCTTTAAGCAGAAGCAGGACGATAGAGATTCCATTTAACTTAAGTTGATCTAGG
TCAGAAGCATACCTACGTCAGGATAACCCCTTCTTTGAAAACTTTGGTAGTGCTCCAGAGCCTAGGCTGGGG
CGGTGAAACAGAGCACATGGAACCATCTCCCTTTCTTTCTGTCAAGAGAAGAGCGTCATCTCTCCAGGGA

>trans_s_5567 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

CATCGCCAGAAGTGGCTTAGAACCAATAGTTCATTATCTAATGGATTTTTCCGTTCTAATACTCCATCCGAGAG
TTATCAGTATTTATCAAATCTGTTCTATCTAAGGGAACACTATTGGATCAAATGACAAAGACATTGTTGAGAA
AAAGATGGCTTTTCCCGGATGAAATGGTTGTTGCTATCTGTTACAATAACGAATCATTGGTTTAACTGAATAAC
TAAATAAAATAGATAGACCCCTCTCTTCGTCTTAGGTCGACAGCGAGAGAGAGCCAGAAGACTTTTTCT

>trans_s_5568 AY437541|Lagenaria sphaerica TCN1536 TrnR-AtpA spacer, partial sequence; chloroplast

TTAAATTAGATTATATTTCTAATAATATATTTAGAATATCATAAATATCTTAATATTTGGAATTTGAATATCCTT
TCTACTAATATCTTATCTTCAAATAAAACAGAATTGAATTATTAGTTTATTTATATAATAAATCTAAACTAGAG
TTACAATTAATATTAATAAATAATTTATAAATTACTATTAATAAATAAGCGTCTCTTATTCAAATCATTCAAATTT
TTCCTTTCTTGACATGATATAGAAAATTTAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_5569 Novel Gene

CCCGAAATTCCTCGGATGGGATTTGATGAGTTGAGTTGAGTTGGGACCTCAAATCTGAAAAACCGAAAGATTG
AGTTTAATAAAGTAGGGGTCTGAGTCAGTTACGGAGCAGTTAATAATCTCTCAATAGTTTGAGAAGCAAGC
ATTAATAATGGTTTTTAGCGCCCTCGTTCTCAGCCAGATAAGATAAATAGGAAAGAAGGAGATAGAATTTTGCA
TTTTCGCTAAGAAAAAGAAGAAAAACATATGTCAAAATCAGTCAAAAAAGATCTTTTCTCGTGAATGG

>trans_s_5570 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

AAGGCCAGGAGCGCATATTGGCCAAATCATTCATGCAAATAATATCCAAATACCAAATTTTCCCCTATATACC
CTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGAAGATCAAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCA
ATAATTCCGAATTTAACCTTTTAAAAAGAGCACGTACGTACTTTTGTGTTTACGAGCCAAAGTTTAAACACAA
GAAAGGCGAAGTATATATTGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCA

>trans_s_5571 AY527172|Cucumeropsis mannii voucher PI532721 NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

CAAATGTGTCCGAAGAAGAAGAGCAAAGCAAAGGAAGCATGCCAAAAGTAAACCAACCCCTTGGAAGTCTA
CGAAAAACCCCATGCGTCAACAGTACCCGCAAAGTGAGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATC
GCTCGGTGGGAAAAAGACCTGTTTATGAACTTCTTACCCTCCGGATGGAAATAAAGAAAAATTCGAAGTTAGA
AATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTCTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTGACTATCCTTTTGGGACCATC

>trans_s_5572 Z25863|S.tuberosum mRNA for glycine hydroxymethyltransferase

TCACAGCCCCCTTCGTACCTCCATGGCGGCTCTTCCGTTATCTGTCTTCTTTGCCAACGAAGCTGTTTATGA
TAAGGAGAGACCGCGCGTTCCGTGGCCTAAACAATTGAACGATCCGCTCGAGGTAGTTGATCCAGAAATTGC
GGACATAATCGAACTCGAAAAGGCCAGGCAATGGAAGGGCCTGGAATCATACCATCTGAGAACTTCACTTC
CGTGTCTGTGATGCAAGCAGTTGGATCTGTTATGACTAACAAAATATCACTTCCAATAAAGTTTTAGC

>trans_s_5573 EU002403|*Datisca cannabina* photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB)
gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes,
complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

GATATCCGTTTCCTCTCTTCTCATTACTTCAACTAGTCCCCGTGTTCCCTCGAATGGATCTCTTAGTTGTTGAGAG
GGTTGCCCAAAAGCAGTATATAAGGCATACCCAGTAAACTTACAAGTAAACCAGATATAAAGATGGCAACTA
GGTTGCTGTTTCCATTATTATATAATTTCAAGACCACAATGGATCTATAATAAGATCATTTATTTACAACGGAA
TGGTATACAAAGTCAACAGATCTCACTGACAGTCAAAGTGGTCAAGTCAAAGTGCAGTGTGA

>trans_s_5574 HM066935|*Nicotiana tabacum* transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

AGACCCCCCTCTCTGAGTCAGGTGTGTAAGCTCTAACAGAGCATCCATAAGCAATTTCCCATGGAAGAAATGGC
CAATCCCATTGGCTATTCCGGATAACGCTTGCATCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGA
TGCTTATTTCCCAGATACCGTCATTGCTTCTTCCGGGAAAAGAAGTTCACGACCCGTAGGCCTTCTACCTCCA
CGCGGCATTGCTCCGTCAGGCTTTCGCCATTGCGGAAAATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGA

>trans_s_5575 EF207456|*Ribes americanum* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAAGTATGTTCTCAACACGTTGACATAGCACGGGTGCCACCCCATCTGGGTAGCCAAGTGC GGAGCGGATAA
CCAGTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCCAAGATGAGTGCTCTCCTAAAGATCAGGAACCAGAGCCTCC
GGTAGCACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCA
AGAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGAACACGTGTGATGTATG

>trans_s_5576 EF141036|*Dendrobium* cv. 'Sonia' S-adenosylmethionine synthetase mRNA, partial
cds

ACGATACGAGACGAGCGCCGAGCTTAGTAGCAAGGACGTGACTAAGGGGCATCAATTCTGGGGTCTCATCCG
TAGCATAGCCGAACACACAGTTTCAACTGTTGATGTTGGCTTCTCAGGTGCTTAGTGAAATGGCCATGGAC
ACCTTGAGCAATATCAGGGCTCTGCTGCTCGATGTTGACTAAGACCTTGCAATTATCGGCATCAAGACCCACAT
CATCCGAGATGAATCCAATGGAACGGCAAGTGTCTCGGACGATTTTCTCGTAGTCTACGTCCGCCTT

>trans_s_5577 Novel Gene

GGGTGGTCCCCCTTCTCGCGTAAAAGCGATCAGAATTGGAACACGCCGCGTTTGACTGGGAAGGATCGAAC
CATGGGAACGAATCTACAGGGCTATCACCTTCTTTGGCCAGATCTTCCAACCTTTTCAAACTCAAATTCTTTGA
CCCTTGACCTCGTATGAAAGGTCAAGCGGCTTGCTGGTTTTTCATCATCCAATCCACAACAAATCGAATGAAA
CCTGGCGAAAAAGAAAAAGAAGTTCAGGTGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCC

>trans_s_5578 GQ435575|*Trichosanthes kirilowii* voucher PS0463MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial
cds; chloroplast

AATCTTAGGAAACGTCTGCTGAATTTATGCGCTGTCCATAAACAAATATTAACATATATCTTTTTCGGTCAT
TTCATAACAGTAATGTAAAGTCAATTATTGGAATAATTAGTTACTTTGGCATCCTGAGATACAAAGCAGTGAAA

AGGGCATGATAGTTACTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGATTATTTGAGGCATTACCAT
TAAGTGATTATATGAATCATTACTATTTCTTCATGGGCTTATCCATTATTCATCTATTT

>trans_s_5579 GQ435576|*Siraitia grosvenorii* voucher PS0464MT02 Ycf5 (ycf5) gene, partial cds;
chloroplast

ACTTCCCATGAGTAGTCCGGGCGTATAGTGAAACGCCCATAGTGTTCAACAATTGAGTATATAGAAAAAGCCAG
TAAAGTATTGTCATTACAATTCAGTTAATAACCTTATTAATCAATGAAACCGTAGGACTCTATGTTTCGTCAGAA
AAGGGCATGATAGTTACTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGATTATTTGAGGCATTACCA
TTAAGTGATTATATGAATCATTACTATTTCTTCATGGGCTTATCCATTATTCATCTATTT

>trans_s_5580 GQ435575|*Trichosanthes kirilowii* voucher PS0463MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial
cds; chloroplast

ATCCGAAGGGTACTCATCAGGCCCGCATATCACTTTGCGGGTGTCACAACGAACCTCATATATCTTTTCGGTCA
TTTCATAACAGTAATGTTAAGTCAATTATTGGAATAATTAGTTACTTTGGCATCCTGAGATACAAAGCAGTGAA
AAGGGCATGATAGTTACTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGATTATTTGAGGCATTACCA
TTAAGTGATTATATGAATCATTACTATTTCTTCATGGGCTTATCCATTATTCATCTATTT

>trans_s_5581 AB032413|*Spinacia oleracea* Spnplp-1 mRNA for nucleotide pyrophosphatase-like
protein, complete cds

TAAGACCCAACTGGGATTAGATACCCCACTATGCTTAGCCCTAAACCTCAACAGTTAAATCAACAAAAGTGCT
CGCCAGAACACTACGAGCCACAGCTTAAAGGACCTGGCGGTGCTTCATATCCCTCTAGAGGAGCCT
GTTCTGTAATCGATAAACCCCGATCAACCTCACCACTCTTGCTCAGCCTATATACCGCCATCTTCAGCAAACCC
TGATGAAGGCTACAAAGTAAGCGCAAGTACCCACGTAAAGACACCTCGTCAACACACATAAGT

>trans_s_5582 AF223066|*Humulus lupulus* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

AGAGAGGTACTCTAAGTAGTTGCATTACTTATAGCTTCCTTGTTGCAAAGTTTTTTGTGCGGTGGGCACATCCC
TTCCAGAAGTCGGGGTTTGTGTCACGTATTAGCTCTAGAATTACTAGAATTAACAGCATTAGCTCTCAAGCC
TGGCGAAGGCGAAAGCTCTCAGGCGGCCACTGCGAATGTTTTGAGAAACAAGCCTTTGACATTAGAGCAC
TGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAGGGTCTCC

>trans_s_5583 FJ104173|*Pinus taeda* isolate 2336 anonymous locus 2_8885_02 genomic sequence

AGGGCGCAGAGTCACTCGACCAGTGAGCTATTACGCTTTCTTAAATGATGGCTGCTTCTAAGCCAACATCCTG
GCTGTCTGTGCCCTCCACATCGTTTCCCACTTAAGTGTGACTTTGGGACCTTAGCTGGCGGTCTGGGTTGTTTC
CCTCTTCACGACGGACGTTAGCACCCGCCGTGTGTCTCCCGTGATAACATTCTTCGGTATTCGTAGTTTGCATC
GGGTTGGTAAGTCGGGATGACCCCTAGCCGAAACAGTGCTCTACCCCAATGGTATTCGTC

>trans_s_5584 AB042424|*Croton sublyratus* cps mRNA for copalyl diphosphate, complete cds

TTTCATAAGCATCGGTATGAGGAGAAGAAGAAGGGTGAGCACGGCCACGAACACCACGGCGGAGATAGCAG
CAGCGATAGCGATAGCGATTGATGGATCAGATCAGCTCGGAATCATTAGTTAAGAGGTAGATTGTGTTCCGAT

CGCGTGTGTTGTGTGTTTAGTATAATAATCTCATGACTCCCTTTTGGTTTAATCCCTCTGTTCCGATCTACGTTT
TTTGTTTTAAATGTAAGATTGTTATATGTACTGTATGTGTGGTGTATACGCCCTCGGCGTCCTAT

>trans_s_5585 HM363060|Chasmanthium latifolium ATP synthase CF1 alpha subunit (atpA) gene,
complete cds; chloroplast

AAACTGGTTATCGATGTATTTGTGTATAATGTAAAACGGGAACAACCTAACTCTTAGCATAGGCACCGATGACG
TCAAAATGGCCAGACGGACAGGGGTTATTAATTATCTCGCTGACCACGTCCGATAGGAATCATTGAATCAATA
GCAATAAGTCCTGTTTGAAGAGGCTCGTATACGGAACGTCTCGAAATAATACCAGGAGCGGGGGAGTGCCGT
TCACATGGAACCTTTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGCTACTACCACCAAG

>trans_s_5586 XM_002879447|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mate efflux family protein, mRNA

ATATCGAAACTCGTCATTGAACTCACCCCTTATTCACAAATCTGAAGATGGGGTGAATTCCAAAGATGAGAGT
CAAATAAATTATGAGAATATCAGAAGGAACTGATAGCTGAGGAAGTTAAGAAGCAATTATGGCTAGCAGGG
CCTCTAATATCGGTCAGTCTTCTTCAATACTGTTTGCAGATGATTTCCATCATGTTTGTGGGTCTCTCGGCGAA
TTGCCTCTCTCCGGTGCTTCCATGGCTGTTTCTTTACATCGGTGACTGGTTTACCGTCTTGGT

>trans_s_5587 GQ998368|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 ATP synthase CF0
subunit I protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

CGTTTCACGGAATAAGTTTTAATCAAATCTGGCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCACTCGAACTGA
TCGGCTTCCATTTCACTTTTCGTAAGGCTCGGGCCCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTAGTTCT
TCTGAATTTTGAATTGTTTTCAAGATCCTCTGTTTTCGATTATCTAATAAATCACTTAATGAAAGTAGATTGTCTT
TCCATTCATTTCAAACTTCGACGATCCCTTCCCGAACCAACATGAATCTTTCGATT

>trans_s_5588 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

TTGTTATATTAATATGAGCGACAATCATATCAACGGTACTAGAACTGTTAGATAATTATAGTCGGTAATAACA
TCACTGTTCTCATCGCTATTACAGAACCGTACATGAGATTTTACCTCATACGGCTCCTCGTTCAATTCTTTCGA
AGTCATTGGATCCTTTTCTCGTTGAGAATCTCTCCCTTCTTCCATTCCGTCCCGAAGAGTGACCGGGACCAA
TTCAGTCACGTTTTATTCAATTGGAATCTGGGCTCTTCTACGTCATTTTTATTTACTTA

>trans_s_5589 CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

AAAGACATGATGGGAAATTGTGGAACCTGAACAACCTATAGGACAGATGTCATTCAAGCACTTGGAGGTGTTG
AGGGTATTCTTGAGCACACGTTATTCAAAGGAACATACTTCCCAACGTGGGAGGGTCTCTTCTGGGAGAAGGC
ATCTGGATTTGAGGAGTCCATGAAGTACAAAAAGCTGACCAATGCACAGAGATCAGGTCTGAACCAGATTCTT
AACCGTAGGTTTACTCTTTGGTGGTCACCTACCATAACCACTTTACCCGTGGGCGTGTTTCGTAGTT

>trans_s_5590 X54738|L.esculentum mitochondrion coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

AACCGGTTTTCGGGTATCTAGGCATGGTTTATGCCATGATCAGTATAGGTGTTCTTGATTCTTGTTTGGGCT
CATCATATGTTTACTGTGGGCTTAGACGTTGATACCCGTGCCTACTTCACCGCTGCTACCATGATCATAGCAGT
CCCCACTGGAATCAAATCTTTAGTTGGATCGCTACCATGTGGGGGGTTCGATACAATACAAAACACCCATG
TTGCCACTGTAGGGTTCATCTTTTGTTCACCATAGGAGGACTCACACCTTATCAGGACCGT

>trans_s_5591 DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K
(matK) gene, partial cds; chloroplast

CGGCTCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCCTCATGGCACCCCGTTCGCTTTAGC
CAATGATCCAAGCAGAGTAATAATAGGAACTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAAATGAA
TTTTCTAACATCTGAGTCCATACCACTGAAGTATTTAATCGAACACTTGAAATATAGCCCCAAAAGTCAACAGA
ACAGTACCCGCAAACACTATACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGG

>trans_s_5592 AY058069|Arabidopsis thaliana At2g46080/T3F17.27 mRNA, complete cds

GGAATCCCTTCCGCATGAGATCTCCCAAAGGTTCAAATTTGCCTTCAAACTTGTAGATATATTGAATGCTTTT
GAAAGAAGCCTTGCTGAAAGACTACAAAAGCTCCATCCATCTAGTGAGGATGACGTTCTTAGCCTTTCGTGGA
TGATATTAGCCATGGAATTGCTTTGTGAACTCATAGTGATGTTAAAAATCTTATCAAGGAGTTAGACCTCCCT
GTCCCTGATTGGAATGAGAAGTTGATCGATGTCTATCTGGACTAGTCACACTTGCCGTCCAG

>trans_s_5593 XM_002875190|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase
family protein, mRNA

GGTGTGGCCATTGTGTCCCTGTTTTCCCATTCCTAAAATAGTATGCACCTCCAAGCCCACTGTGAACAGGAAT
CGGATCAATACCCAACCTTGATAGCTTTCACAATCTCTTTGACCAACCGTTTTGTGCCAGAAAAACGATCTGAAT
GCCCCAATATCTCAATAGGTCCACTCTGGTCTCTAAGCCGGAGATCTTCCAGTGGGTGAGAGACATGGAGT
AGATGAGCTTCTGTGCAAGAGATTTCTCGTGAGCAGAAGGGGAGAATCATTTGAATGGCAC

>trans_s_5594 EU908574|Solanum lycopersicum glucan water dikinase (GWD) mRNA, complete cds

CAATCAAGTTCAGGACAGCATTGGAAATCTCCTATATCAACAAAGTTCTTAGGGAAAGGTCTAAGCGTTAAA
AAACCAAGGATGGCCACCGGAACAGGTGCCACAGCTTTCCTGTTAACACACGTGCTGTATTAGCCACGGATC
CTGCTTCCGAGCTAGCTGCGAAGTTCAAACCTGGATGAGAATATTGAACTGCAGGTTGATGTTAGTGCCCTAC
TTCAGGTTCCATTAGACATGTAAATATCCTGGTCACAAACATTAGTGGCTCGCTTCTTCTCTGC

>trans_s_5595 AB428381|Rosa hybrid cultivar RhXTH4 mRNA for xyloglucan
endotransglucosylase/hydrolase, complete cds

CTACTTAGCTTTTCAAGGCCCTTGCAAGATGCCACAAAGGGAGAATGGGACCAATCAGTTTTAACTCTACCGC
CTTGTGTGGCCCAATCATCAGCATTCCATATTGAACTATAAACTCCCATGGATTGGTCTCCAGGAAATGGTACG
CCCTTGCTTCCATGTTTCGTGTGAACTCGTACTGGTGTTCGTCTACAAGAAATATGACTTGACGACGGTTCCA
AAAGATGGAATAAGAATGAAAATCTTGAGTTGGATCGAACCAAGTTTCAATCTTTGCTCT

>trans_s_5596 AC183493|Brassica oleracea Contig B, complete sequence

GTACTAATTCAACAATGTTACTGACCACAATGTATCAAATCAAATAACAATGCTATGATAACGGAACCATGGC
TCAAGGGCGTTTCGGAGGGCGGGATCCGGGGTGTGGTACGGAAACGAAAAGACTGGAAAGAATGCACAAGA
GATGAAAATCCCCCTACCGATCAATGATAGATGAATGATAGAAAAATTTCCGGATCAAAACCTTACTTTCTTC
GGTCTCTTTACTTAGACTTCGGCGAAAGGGGAGGTGCTTTTGTCCGAACCCTTGTTTTTAGT

>trans_s_5597 NM_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

CAGTAGCTCTACTATTACCTCTTCTATCTCAAATGCAAACAACATACCTTCTTCAAGGAGTCCAAGCTTCGTCC
CGGATCTCACTATGTAGGTTTTCTCATCCTAGACCCATGTCAGGAATGAATACCACCCAGGGTTATATAAACC
GGATGTACCCACGCCTTGTATGGTCAATTTGGAAACACAGTCAGATCTGGTGTAGGGTTTGCCTCACATGG
TTATGATTCAAGAACTAATGGGCGTGTGTGGCTTGCAGTGGACACACCACCCGGTAAGCA

>trans_s_5598 EU513352|*Olea europaea* lipoxygenase 2 (lox2) mRNA, complete cds

GGACGTGCCCCTTCCGATACTGATATGACTGCAGAGAGTCGAGTTGAGAAACCGTTACCCATGTACGTGCCAA
GGGACGAACAATTTGAGGAGTCTAAACAAACCACTTTCTCTCTTGGGAGGCTTAAGGCAGTTCTTCACAACCT
AATTCCATCCCTCAAAGCCAGTATTTTGTCAAACAAACATGATTTCCATGGTTTCTCAGACATTGACAGCCTTTA
CAGTGAAGGGGTGCTCCTTAGGCCGACGAACACCTCCAGGTGAAGTGTCTTGCTCCCGCT

>trans_s_5599 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete
sequence

AAGCCGAGGGAGAGAGAGCGAGAATCCATACATCCCTTATCAGTATATGGACAGCTATCTCTCGAGCACAGG
TTTAGGTTTCGGCCTCAATGGGAAAATAAAACGGAGCACCTAACAACGTATCTTCACAGACCAAGAACTACGAG
ATCGCCCTTTTATTCTGGGGTGACGGAGGGATCGTACCATTTCGAGCCTTTTTTCTGCAGAAAAAAATTCTTC
TGGAGAAAGCTGCAATCAATCTCCGTTGAGTAGTCCGGGCGTATAGTGAAACGCCACACAC

>trans_s_5600 Novel Gene

ACGGCTCCAGCACTCAGTCGCTTTGACTTTCTTTTTGATTGAGTCTTTATTCATTGAGGCTCCTTCGTGCAACCT
TTACATAAGCTACGCCCTTCTTCATTGACTCCTTATCAGTCGACTTTCTTCGAACCGGTCCGTGGTAGCTTAATT
ACGAGTTATTTATAACCTAGGACGGACCCTTATTTAAGAAATCCTCCTTATTCATTGAGGACCTTTGTTTTGGA
GGGGTCAAGACGAGCGAAGATAAGAGCAGAATCAGGAGAGGCTGTTTGCAACTCGT

>trans_s_5601 AM260502|*Platanus acerifolia* partial mRNA for ketol-acid reductoisomerase (kar
gene)

CTCATCCATGGCCGCCGCCACACATTTGCTCCCTCTATCTCAGCCTCTTCAACCAAAACCTAAAACAAGCTGC
TGCTTTGCAGCCTCTATCTCCTTCAGCTTAGGCTTTTTATCATCTTCTTCCTCAGGATTATACGCTCTCAAAGCT
GTTGGTATTTGTGGTGCCATGGCGTCGGTTCAGCTCTTGGTGCTCGCATGGTCTCTGTTCTGCCATCAAGCC
CTTAACCTCGCTTGATTTTGATACATCTGTTTTCAAGAAGAGAGGAGTTAACCTCG

>trans_s_5602 AJ428413|*Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

CTGACCTCGGATCACGATAGTACCAGATAAGTACGTCCTAATTCCGATAGCTGCCGATAATTGACTAACGCATT
ATTGTCCGGATGGAAATTTAATTGTACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTCC
CACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGCAGTGGTCACTGACG
GTCCGACTCTTGAGCCAAACGTTTTTTCCGCGAAGCGATGGCTCTCGAGAACTGCCTCCAAG

>trans_s_5603 X13914|Wheat signal recognition particle (SRP) 7S RNA variant 2

TGGGTGACACATTACAATCTGGGTGGTTCTACCGGCCGTTATCCTTCCACCGCTGAGAGTGGGTGGTAACGC
TGCTCTGTGAATCCAGCCTCACGCGGTGCCACCATCTTACGAGCAATGGACTCCCAACCTACGTCGAGAGC
CCCCTGCCAGCTCACAACCTTGAATGGGCAGGCCAGCAATCATCTCAGTAAAGCCCTACACGGCGGAACGA
ACCAACCTTCAACCACCTCACTGCCCCACTTGGGTACAAGCTCCCATTACAGAGCTCGGC

>trans_s_5604 GQ998717|*Quercus nigra* voucher FLAS:M.J. Moore 311 16S ribosomal RNA (rrn16)
gene, complete sequence; chloroplast

CATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTCTGTGAGATGTTGGGTAAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCTTGATCTTAGTT
GCCAGCATTCAGTTGGGCACTCTAAGGTGACTGCCGGTGACAAACCGGAGGAAGGTGGGGATGACGTCAA

TCATCATGCCCTTATGACCTGGGCTACACACGTGCTACAATGGATGGAACAAAGGGAAGCGAACCCGCGAG
GTCAAGCAAATCCCACAAAACCATCTCAGTTCGGATCGGAGATTGCTTGAGATTCCTGACCTC

>trans_s_5605 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TCGGGATTTAATCCCATAGAGATGATAAATGTTTCGCTTGTAATTCAAGGGGATGCGTTGCATCTCGATGAT
ATCGAATCGTATTAAATATCATGAATAACAATATCGGAGCTATCAAATCGATTATCGTCGAGAATTGAATA
GTATAACATAGGAAGATCTTTATCCATACCGAATTTAAACAAAATGGGATTTCCGAAAAACAGAGTTCAAGT
CTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCACTTCCACTTGACACCTATC

>trans_s_5606 XM_002328499|Populus trichocarpa histone 2 (HTA909), mRNA

AGACAACAAGAAGAATCGTATTGTGCCGAGACATATTCAGCTTGCTGTGAGAAACGATGAGGAATTGAGTAA
GCTTTTGGGATCCGTAACAATTGCTAATGGCGGTGTTTTGCCTAATATTCACCAAACCTCTTTTGCCTAAAAAGG
TTGGTAAAGATAAGGGTGATATTGGTTCTGCATCACAAGAATTCTAGAGCTTTTAGGGTTTTTTTTTGTAAGG
TTTGTTCATTACTAGAGATGACAATACTCTGATATGTGAAAATGGATGGATGGTTTTGC

>trans_s_5607 Z14078|T.aestivum mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

AGCTTGAGTCTCGTAGAGGGGGGTAGAATTCCAGGTGTAGCGGTGAAATGCGTAGAGATCTGGAGGAATAC
CGGTGGCGAAGGCGGCCCTGGACAAAGACTGACGCTCAGGTGCGAAAGCGTGGGGAGCAAACAGGATTA
GATACCCTGGTAGTCCACGCCGTAAACGATGAGTGTTCCGCCCTTGGTCTAGGCGGATCAGGGGCCAGCTAA
CGCGTGAAACACTCCGCCTGGGGAGTACTTGATACAGAGGTCCCACTGGGAAGGCCAGTAAAAATT

>trans_s_5608 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

GTCAGGCGAAAGATTATTAGGCGTGTTGACTACACCTAACATGTGGAATGGGTGCATAAGGATGTTGTGCTC
AGCCTGGAATACAATCATGAAGTTGAAAGTACCAGAGATTCCTAGAGGCATACCGTCAGAAAAGCTTCCTTGA
CCAATTGGGTAGATCAAGGTACTACCCATCCCAAAGATTCATAGTGAATTCGATAGGGGCTTCTCTTGAAGC
AATAACGCGTTGATCTAGTCGCCATCGGAGCCACAAAGGACTATCTAAATTGATCCTTTTC

>trans_s_5609 AF017156|Cucumis melo 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTCCAAATCTGCTTTGTGAGGGTGTTAACTATCCTTCACGGCATACTGTGAGGTTTTTGCAGCGAGAAGCCATC
GAATTAGAATGTTGTTCCCATCCGCCAGTCAGCCTTATCATTAGCCTACCCTCGTGTCAAGATAGCCCAACCCG
GGGGGATTTTTCTGGTCGGGAATCCTCATCTGGTTCATGATTTCTTACTGTGTGGTTGATGTAACGTAATTCC
CACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTGCAGACGACTAAATACGCGACAGGGTATT

>trans_s_5610 EF207456|Ribes americanum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CAGCACCAGAAGAACATAGCATAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTTGTCCAAGTTACTTGTTTT
TTTGTCCAAGTTTCTTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGGAATATCCCCCTTCATA
GGTCCGAGATCCACATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCAACTCTGCAATCAGTTGTTAGAATCAATAGG
TCTTCAAATCGTTCATTTGAAAAAATTGAAACCCTTCTTATTGGATGAGAAA

>trans_s_5611 AY111488|Zea mays CL26807_1 mRNA sequence

TTGAGGCAAATACAAATTCTCCACCAAGCAACTGTCCTTAAACATCAGCATATATCTTATACAGGCCAACAAA
ATTATACAGAAAAATATAAACCAATTCAATTGCTATGCAAAAATATCACATTAAACCTGAAATCAACGTTT

TAGGTGTAGTCTCGATATTTTTGCTGTCAACAGACAAGCTCTTCTACGGTAATCCGCAGGAGACGATCCCTTC
ATCGATCTTCTGTCATTCTACATGTAAAAAGAGTTTTGCTTGTTCCCTTCACTT

>trans_s_5612 GQ998798|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ATP synthase CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

GAAGACCCTGTTGAGCTTGAAGCTCTAGTCCGACTTTGTGAGGTGAAGGAAGTATGACTGCTTTACCAATAGTTG
AGACCAATCGGGAGATGTTTCAGCTTATATTCCTACTAATGTAATTTCCATTACCGATGGACAAATATTCTTAT
CTGCCGATCTATTCAATGCTGGAATCAGACCTGCTATTAATGTGGGTATTTCCGTCTCCAGAGTAGGATCTGCA
GCTCAATAATTTCCGGTACTTTGTTTCATCGGCCGTTTAATTTTAACCTAAGCCCA

>trans_s_5613 DQ069647|Typha latifolia photosystem II 44 kDa protein (psbC) gene, partial cds;
chloroplast

AAAGCGTGCTTGGGCGCTCTCATCGCAGCCTGGTTTGTCAACAGGTTTCTGAAGATGTGGTACAAAAGCTTA
ATTTTGTTAGGTATAGGTGCTTTTCTTAGTATTCAAAGCTCTTGCCCCATTGCCCGTGGTATCTAATGTCCA
GACCATTTGATGGTTGGATGTTTCGTTTGTAGGGCATAGAGTAATACACAGGTCTTGCGACACAGTTAGCTT
ATATAACAAGCTTTCTGTTACTGAATCCCTGCGTACATATTTTCTACCCTCCAC

>trans_s_5614 AF082030|Hemerocallis hybrid cultivar senescence-associated protein 5 (SA5)
mRNA, complete cds

CAGTTTGTGGTACAAACCGGCAGATGAGTGTAATTTACGTACAAGACACCGACTCAGTGGGATAAACCGGC
AAATGTTTCAAGTTTTTGAATCCGGACTGTGGTTTGTGGGATAATAGACCTGAAAAGCTGTGCTTCGATTGT
GAATCCTGCAAAGGTGGAGTCTTGGATAATCTGAAAAGGAACTGGAAGAAAGTGGCGATTATTAATAAAGAG
AGAGCTCTCTTGAAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAA

>trans_s_5615 AY366932|Raphanus sativus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTCCGCGGGGCTGGCTCTTGCCCCGACGGCCGGGTATAGGTCGCGCGCTTCAGCGCCATCCATTTTCGGGGC
TAGTTGATTGCGCAGGTGTCAACAATGTGTGAGCTTAGCGGATTTGACTTCCATGACCACCGTCTGCTGTCT
TCTACTTGATTGTGGAACACAACACTCAGCAGATACATGCCTTAAACAATGCCAAATTTTCCGGTTCATCCC
GCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGGAGCTCTCGATTCCGTGG

>trans_s_5616 HM235957|Galega orientalis Ca²⁺/H⁺-exchanging protein (CAX) mRNA, complete
cds

AGGAGAAGAGGCAGTGATCGGATTCTGCAGTGCATTTGCATGGCTTGTTGGAATGACACTCCTTATTGCTTTG
CTTTCCGAGTACGTTGTCAACACAATTGAGGAAGCATCTACTACTTGGGGTTTGTCCGTGAGTTTCCTTAGCAT
AATCTTGCTCCCTATTGTTGGAAACGCCGCCGAACACGCCGGAGCTATCATATTTGCCTTCAAGAATAAGTTGG
ACATATCTTTGGGGGTTGCCCTGGGATCTGCACACACCCCCAACAGCCGTGTTTC

>trans_s_5617 U21139|Pisum sativum chaperonin precursor mRNA, chloroplast gene encoding
chloroplast protein, complete cds

AATGCAAGGGATCTCATTAACATACTGGAGGATGCTATCAGAGGTGGCTATCCTGTTGTGATAATGGCAGAG
GATATTGAGCAGGAAGCTCTGGCAACTCTTGTTGTAAATAAACTGAGAGGATCTTTGAAGATAGCCGCACTTA
AAGCTCCTGGGTTTGGAGAGCGCAAGAGCCAGTACCTTGACGACATTGCTATTCTACTGGAGGCACGGTTAT
CAGAGAGGAGGTAGGGCTTTCCTTAGACAAAGCTGGAAAGGAGGTACTTGGAAATGCA

>trans_s_5618 EU016728|Anethum graveolens ATP synthase CF0 subunit I (atpF) gene, partial cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCCAGTGCTCGTCAAACCGATTCTTTCATTTCTTTGG
GTTACTGGCCATCCGCCGAGAGTTTCGGATTTAATACCGATATTTAGCAACAAATCTAATAAATCTAAGCGTA
GTGCTTGGTGTATTGATTTTTTTTGGAAAGGGAGTGTTAAGTGATTTATTAGATAATCGAAAACAGAGGATCT
TGAAAACAATTCAAAATTCAGAAGAACTACCACTCCCCCGGTAACCCACTTCAAG

>trans_s_5619 NM_001050746|Oryza sativa Japonica Group Os01g0742200 (Os01g0742200)
mRNA, complete cds

ACCGACACCACAACAAGGGCACCATCAGTAATACGCAAAGCAGCTGTAACTCAGATGAGAAGTCAACGTGC
CCAGGTGAATCAATAAGATTGATAAGATACTCATTTCCCTGTCTCTCTCCCTTGTAACTTTTCAAGGATTCATCA
GACATCTCATAGTAGAGGGAGATTCCAGTAGATTTAATGGTGATACCACGCTCTGCCTCATCTTGACGAGTAT
CTGTCATTCGTACATCACCAGCAACTTCTTGTCGAATGATACCGGCAGCAGCCACA

>trans_s_5620 GQ998298|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 cytochrome c heme
attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

GAGCCGGTCCGCCAATCGACTTGGGGCATGGACCGATGCGGATTGAGAAAGAATTATTATAAGTCTCAACTG
ATTCAACAATTAGATCATTGGAGTTATCGTATTATTAGTCTAGGGTTTATCTTTTAAAGCATAGGTATTCTTTCA
GGGGCAGTATGGGCTAATGAGACATGGGGATCGTATTGGAATTGGGACCCAAAGGAACTTGGGCATTTATT
ACTTGGACGATATTTGCAATTTATTTACATACGCGAACAAATAAAATAAAACAAAA

>trans_s_5621 NM_104940|Arabidopsis thaliana flavin-containing monooxygenase family protein /
FMO family protein (AT1G62620) mRNA, complete cds

ACCTGGGTATATTCGTCGGAAATTGAATCCGACCCACTTGGAGTCGACCCAAATCGGACCAGAATCCATAGCA
GTCTCTACAAATCCCTACGCACCAATCTCCCCAGAGAACTCATGGGGGTCCGCGATTACCCTTTTGTTCTCGA
GAAGGGGAGGATCGAGATCCGAGGCGATTTCCAAGTCACCGGGAGGTTCTAAAGTATTTGGAAGATTTCGCT
AATGAATTTGGGATTTGTAAATTGGTGAGATTTGGAAGTGGGTGGTATTTGTTGG

>trans_s_5622 AY527182|Citrullus lanatus var. citroides voucher PI482252 NADH dehydrogenase
subunit F (ndhF) gene, partial cds; chloroplast

TCTTGCTCAAAAAGATATTAAGAGAAGTTTAGCCTATTCTACAATGTCTCAATTGGGCTATATGATGTTAGCTTT
GGGTATGGGGTCTTATCAGGCTGCTTTATTTCAATTTGATTACTCATGCTTATTCAAAAGCGTTGTTGTTTTAGG
ATCGGGGTCCATTATCACTCAATGGAATCGGTTGTTGGATATTCTCCAGATAAAAGTCAGAATATGGTTCTTA
TGGGTGGTTTAAACAAAGCATGTGCCAATTACACCGGGTTAGGTTATTGGGC

>trans_s_5623 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

TCTAGAGAATCCATACATCCCTTATCAGTATATGGACAGCTATCTCTCGAGCACAGGTTTAGGTTCCGCCTCAA
TGGGAAAATAAAACGGAGCACCTAACACGTATCTTCACAGACCAAGAACTACGAGATCGCCCCTTTCATTCT
GGGGTGACGGAGGGATCGTACCATTGAGCCTTTTTTTCTGTGAGGGGGGGGAGGTCTGGAGAAAGCTGCA
ATCAATAGGATTTTCTTAATCCTCCCTCCCGAAAGCGAAAGGAAGAACCACTTTCT

>trans_s_5624 Novel Gene

TCTCTGTGACTCTCCGGACGTGAAGAAGAAGATCGACTGTGAATATGGATATAAACAAGGACTGAGGGCCTC
CCGTAGAAGGAGTCATGAAATGGAATATGAACCCGTCTCCAGACCTCTTTGATCCTAACGGAGGTCTCGACT
GAAAGGAGAGTGAGGAGTGCGAGAGAAAGAAGCGAAGCGAATACTCGTGCAAGTGCTGGAGCCGAGCAAT
ATGATATTTGGGCTTAAAGGAAGTGAAAGGAAGATAGGCTTTCAAGGAGGTCTCGACTGA

>trans_s_5625 AF404501|Isoetes martii ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large
subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

GTCATCATTTCTTCGCATGTACCTGCAGTAGCATTCAAGTAATGTCCTTTCATTTACCTGTTTCAGCCTGTGAT
AAATTTTATCGAAGGCGTGTTTTAGGAAACGGTCTCTCCAACGCATAAATGGTTGGGAATTCACGTTTTTCAT
CATCTTTGGTAAATCAAGTCCACCACGTAGACATTCATAAACTGCTCTACCATAATTCTTAGCGGATAATCCC
AATGGGTTGGGCGCGCTGTGTAGGGTTATCTCCGCTGGTATGAACAAGTTT

>trans_s_5626 AJ236706|Humulus lupulus H17SL-1 gene for signal recognition particle

GACACATTACAATCTGGGTGGTCTACCGGCCGTTATCCTTCCACCGCTGAGAGTGGGTGGTAACGCTGCTC
TGTGAATCCAGCCTCACATAACATTTGTTGCTCTTACGAGCAATGGACTCCCAACCTACACTACTCTACCCCTGC
CCAGCTCACAATTGGAATGGGCAGGCCAGCAATCATCTCAGTAAAGCCCTACACGGCGGAACGAACCAACC
TTCAACCACCTCAGTGCCCCCACTTGGGTACAAGCTCCCATTACAGAGCTCGGC

>trans_s_5627 AF009004|Pelargonium x hortorum glycine-rich RNA binding protein 2 (GRP2)
precursor mRNA, complete cds

ACACTCTTCTTCTTAGGGTTCCTCTTTTCTTCTCATTTCATGGCTTCCTCCTCTGTTGAGTACCGTTGCTTTGTG
GGTGGCCTTGCTTGGGCACTGATAGTAATGCCTTAGAGAAGGCTTTCTCTCCATTTGGTGATATCGTTGAAG
CCAAGGTCCGTTTGACGTCTCTCGAGTTCGGGTGGAATCCGATTAGGGAGCACGAAGGCCGAGTCGAGAGAC
TAGACACTGACAAAACACAATGAAATGATGATGATGATGAGAAGTACTAGTG

>trans_s_5628 AF525758|Fagus sylvatica chloroplast DT region, partial sequence

GTGAACTTCACATCTCTCTTTCAAGGAGGCAGCGGGGATTTCGACTTCCCCTGGGGGTACCATAAAAGAAAAG
GAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCGAGCGGTTCGGCAGGG
ACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCCCAACATCGTGCGACA
CCATAAAATGATATAACCTATTTGTCCTTCTACAGAAATACTTGATATGAAAGAATA

>trans_s_5629 GQ998387|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

GCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTTCTGGGTCGTCTCAACCCCTTGCGATGG
GGCTTTATAAAAACCCCCGCGTCGCTCCCCTACATCCAAAGGATTTACTTGTTACTAATAGAGTCTAGCCTAT
GTTCTTCTTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGAATGCATTTT
CATACTATTAAGTAAGTGAAATAGATAAAACATAATCTGTATTATGGCATA

>trans_s_5630 D50085|Cucumis sativus mRNA for NADPH-protochlorophyllide oxidoreductase,
complete cds

CCCTTTTGCCGAGATTTGTTCAAATCCTCTAACAACAAACGGGAAAGGAGGAAATGACCAAGATGGTTAGTT
CCAACACTAAGTTCAAAACCTTCAGCAGTGAAAGTAGGCTCTTTAGCAGTTGGTAGGTAAACAGCAGCATTGC

ACACCAACACATCAAGCGGCCTGCCAGACTGCCTGAAGTTGTCAACAACTGGCGAACGCTGTCGAGCGAGG
CAAGGTCCAAATGCATAACAGTGTAGTTTTCTTGGAATGCCCCGAGATTTAGCA

>trans_s_5631 AB073495|Arabidopsis thaliana DNA, repeat sequence

AGCACCGGATCCCATCAGAACTCCGCAGTTAAGCGTGTCCACCGCGAGAGTAGTACTAAGTTGGGTGACCACT
TGGAAGTCCTCGTGTTCACCCCGGGTGCATCATACCAGCACTAATGCACCGGATCCCATCAGAACTCCG
CAGTTAAGCGTGCTTGGGCGAGAGTAGTACTAAGTTGGGTGACCACTTGGGAAGTCCTCGTGTTCACCCCTT
TGTGCGATCATACCAGCACTAATGCACCGGATCCCATCAGAACTCCGCAGTTAAG

>trans_s_5632 AJ538781|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT1-M22-007

CTCTAGTAGCAGAGCTTATCCCCATCGCAAAAGCCTCAGTAACGGTCGGACGGTAGTAAAAAGTCATAGCAA
ACCCCGTAGCTACTTGTACTAAAAACAAGTAAGCGTAATTCCTCCTAGACAATAAAATATGTTGACATGAGG
AGGAACGTATTTACTAGTTATATCATCTGCAATCGCCTGAATTTCAAGACGTTCTTGAACCAATCATACACTTT
ATCTGCGCTCCGGAAATACAGAAAAAATAAATTCACGATCGAACTACCAA

>trans_s_5633 AJ003197|Lupinus albus mRNA for adenine nucleotide translocator

CCAGTTTCCCTCGCGGCCATCAGTTTTCTCCTAAGGGAAGAAGTAGCCATGGCTGATCAGGTTCAACATCCGA
CTATCTATCAGAAGGTTTCTGGTCAGCTCTCCCTTCAGTCGAGGGTTGCTTGGGCTTCCGGGCTTGTGATGAT
GGCTTTAGGAATCCTGCACTCTATCAGAGACGTGCCCCAATCACCAATTATTCTAATGCTGCTTTTCAGTACCCT
GCTGTGCAATCCTGTGCAGCTACAACCTGACCTTTCTAGGGTTGCTTCACAGT

>trans_s_5634 AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

TCAGTACTTCCCATATTGCTTGTATGGGACACTCCACATTGGATCAAGAACAGGATCAGAGGGATCAAAAAC
GCTAATTCGTATATTTAACGGTCCAATTAACAACCAGCACTAGAGCTGTATGCATTATATGAACAGAAAGCA
AACGACCGGGATCATTCAATACAACGGTATGAACACGATACCAAGGCAAACCCATGGAAATACCCCTTTATCA
AGGAAAAATAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTTTTCCCCTC

>trans_s_5635 AF309408|Croomia japonica 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATAGGGTTCGATTCCGCTCTCTTTCTAACAGAAAACGGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAAT
TACCAATCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCGCCACATACCAAATCAGGATGACTCAACGGCCAAGG
CAGACGTGGCTCGGGCTTCCGGTAGAAGCTGGCCAAGAAATGGGTCTGGTGCCAGCAGCCGCGGTAATTCC
AGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGACCTT

>trans_s_5636 AY105100|Zea mays PCO148197 mRNA sequence

AATTCTCTGCGATTAAGGCGAGTACCCGATTCACACCCGGTTTCATTGCATCTCTGTACTCAATCCCCTTATCTG
TCTCCAGAACTGGCCTTATCTGGGGTCATTCATCGCTGTGGAATTCTAGACCTCCCTGTCCGGGGGTATATAA
GCTTGGGGCCCTCTTCCCCTTAGGAATGGGTCCGAGCCAACAACCTCCAGTTTCATTACGAAGATATATTACGT
CAGGATCTGTTGCTCAAACAGAATCACACCAACACCGCCCTTCAAGGAAA

>trans_s_5637 NM_001187409|Oryza sativa Japonica Group Os05g0310500 (Os05g0310500)
mRNA, partial cds

AGTGGAACAGAGGCTGGGGCGAGGATGGCTACTTCAAGATAAGAAGAGGAACGAATGAGTGTGGGATTGA
GGAAGATGTTGTTGCTGGTTTGCCCTCAACAAGAAATATTGCCAGGGAGGCTGCCATATGATCCAGATGCTGC

TGTTTCACAATCAAGCTTTGCTCAACCGAGGATATGTTTTATGTGTCCTGCATTTGTATTAGAACTATTTATGCA
TATGAAGTTGGTTAATGCTTTGCTGAATGTTTCCAAGTATCTGTGTTTTACCCCA

>trans_s_5638 AY396191|*Praecitrullus fistulosus* photosystem II protein (psbC) gene, partial cds;
chloroplast

AAAACCTGCCTCCAGGAGAGCCGAGCCAAAACAGAAAAAAGATTAGATAGAAATGAAGAAAGGAAAAAGG
AGGACTTTTAAAATATAACCCGATCTGTCCAACCTGATATGTATGGTGGAATCCAATTGATTTGACTTCAAGC
ATTAGATCGCCTGTCTCAGTTAAGAGGAGTCATGAACAGAACAGGTTCAAATCACGATCTTAAAGGAAAATC
AAATCCTGCGGCAGCTGCACGAGCCCTTCTGCATGCCATAAATGACCTACG

>trans_s_5639 EU016746|*Anethum graveolens* 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial sequence;
chloroplast

TGTTGCGAAGATCCTCTGCCTGGTGCAAATAGTCCAGTTGCATACCCATATGCGGCAAAGATATATTGCTCGTT
AAAAGTGATCCAATGTTTCACTCTATCTCCAACTCTTTGAAGCAAAGTTCAGATACCTGAGACTGTCCCTTGG
CCCGTAGGTCCTGACACAAGGTTAGAATTCTAGCTCTTCAGAGTGGTATCTCACTGATGGCTCCCCGGGGG
GGGGAAAAAATTCTCTCGCCTTCCACCTAAGCTGCGCAGGAAAGGCC

>trans_s_5640 GQ998725|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 acetyl-CoA
carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

TCCCATTACATTTCAGAACAAAGTCGTGTAGTTAAATTTTTCTATGCGTGCTAGTTCTTATACTGAACTCTCA
CTTTGACTACTATTTCCACCTTCAGCACAAATAGAACTATAAATGTAAGTGTCACTGTAATTGTGACTACCACTT
AAAATGTAAGTATCAATACAGATTTGAGTCCAAAGATAACTGTCAATGCAACTATTAATGTGATTATTCCAAC
TATTTTAGTATCATACATGTACTGATACCGACAAAGGCTGCACAGA

>trans_s_5641 L43352|*Chlamydomonas frankii* chloroplast large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene

GCCCCACCGGGTTACCGAATTCAGTCAAACCTCCGAATGCCAGTTACTTAACTTGGGAGTCAGACTATGGGT
GATAAGGTTCATAGTCGAAAGGGAAACAGCCCAGACCGCCAGCTAAGGTCCCAAAGTGTGTGTTAAGTGGA
AAGGATGTGGAGTTGCTTAGACAACCAGGATGTTGGCTTAGAAGCAGCCACCATTAAAGAGTGCGTAATAG
CTCACTGGTCGAGTGACTCTGCGCCATCCGTCGTAAATCGGATAGCAGTA

>trans_s_5642 FN563083|*Nephroselmis pyriformis* plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 717

AGTGAATAAGGGCGCACGGTGGATGCCTTGGCACTAGGAGCTGACGAAGGACGGGACTAACACCGATATGC
CTCGGGGAGTTGTAAGTAACTTTGATCCGGAGATTTCCGAATGGGGAAACCCACTGTTCTGTAATGGAGCAG
GATCTTATGCTGAATACATAGGTATAAGAAGGCAGACCCGGGGAACTGAAACATCTAAGTACCCGGAGGAAG
AGAAAGCAAATGCGATTTCCCAAGTAGCGGCGAGCGAAACGGAATCAGCCCAA

>trans_s_5643 NM_102124|*Arabidopsis thaliana* Gl (GIGANTEA) (Gl) mRNA, complete cds

CTTGGAACCTTTTGTCTTCATCATCCGGAGCACGGGCATGCTGTTATTCTTCCAATTATTTCTGTATTATTGAT
GGTACTATGGCGTATTGCAAGGATGGTTCTCCCTTTTCGTCTTTCATATCCTTATTCTGCCAGACACAGAGCAT
GATTATTCTGAACAGTGGGCTCTGGCATGTGGTGAGATTTTGAGAATTTGACTCATTATAATCGTCCCATATA
TAAGACGGAACAACAGAGTGTTGAAGGAGAAAGAAGTGAACCAA

>trans_s_5644 AF109917|Picea glauca glycine-rich RNA-binding protein (RNP) mRNA, complete cds

TCCCTTCTCACCAGACGTTACCCGAAAACACCCACCCCTTGCTTGGGCCACTGATAGTAATGCCTTAGAGAAGG
CTTTCTCTCCATTTGGTGATATCGTTGAAGCCAAGATCGTTAGCGATCGTGAAACCGGAAGGTCGAGAGGGTT
TGGATTCGTGACGTTTTCCGAGGAGGATGCCATGAGAAGTGCTATTGAAGCAATGAATGGTCATATTCTTGAC
GGACACGGCGCCGTTACCGGTAGAATATGATGCCTAGACCAGGTCCCA

>trans_s_5645 AY865171|Lactuca sativa chloroplast inversion region

ACCATTCGCGAGATTAGAGATACGACCCAATGACTATACATGATTCCATAAATGAATCAATTACATACCAGTTC
CAAGAAATTAGAGGTTATGGTAAACTTCGTTTAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGTGCGACTTGAAGGAC
ATGATCCACTGTGGATTCTTACACCCACCATTTTATATTATATAGGAATGAAGATGCTCTTGACTCGACATAGTT
TGTTGCGTTGCACTCGAGCTCAAAAAAAAAAATTGACGACTGCGCATC

>trans_s_5646 AY663852|Cucurbita ficifolia serine/threonine kinase-like protein gene, partial cds

GGGGCGTCTCTTAGTCCACGGAAGAGGTAAACCCGTGACCAGAATGAATGCATCTTGCTTTCTCTGGACAGG
GCTCAAGAGTGAACATTCTTCTTGGTGGAAGAAAAAGACCTTTGGGTTTGGTGGAGAAGTGGCTATGAAAA
GGTTTGAGAGGGCCAATGGAATTGATGCGAAATCCTTTGACTATAGTATAAAATTAATAAGCTACCACGGAC
CGGGTTAGTGGAATTCAGAGGTCCGACTAGAACTGAAAGGAGAG

>trans_s_5647 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

GTTGCAAATAATATCCAAATACCAAATTTTCCCCCTATATACCCTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGAAGA
TCAAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCAATAATCCGAATTTAACCTTTAAAAAGAGCA
CGTACAGTACTTTTGTGTTTACGAGCCAAAGTTTAAACACGGGTACCTCCTTCTAAGGCGGAACGCTCCCC
TACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCAGATCGC

>trans_s_5648 AB331875|Ochrosia kauaiensis genes for 18S rRNA, ITS1, 5.8S rRNA, ITS2 and 26S
rRNA, partial and complete sequence

AGGAAAACAAATAACGTTTCAAGAATCTTTTCTCCGCTAGCAGCGTTTTCATATCCAATGGCTCGCTCTTTCTCC
AACGTTAAGATCCTCTCCGCTGTTGTTTCCGATGGATTCTCTCCCTTCTCACCAGTCGTGTGGCGTATTATTAT
TAAACCTCTGGAAGACCATACTAGACATAACAGGGAAGACAGGGAGGATCTCTGAAACAACGACTCTCGGC
AACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGTAGC

>trans_s_5649 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

CTTGATCTAAACCAACTCAAATACATATACAATTCAACATGCCAACTATTAAACAACTTATTAGAAACACAAGA
CAGCCAATCAGAAATGTACCAAATCGCCGCCCTTCGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGAACATGTACTAGG
GTGTATACTATACCCCCATTTTGGTTCAATTTACCCAGAAAGTACAAAATTTTCCCGTATCAGTTATAAGT
ACAGTGAATAGGATAGAATAGGCAGAAGAAATCCACCTTG

>trans_s_5650 NM_112724|Arabidopsis thaliana EMB1865 (embryo defective 1865); RNA binding
(EMB1865) mRNA, complete cds

GACTGGGGAGGAAACACTTGGGGATTTACTTCAACGTGAATGGATTGACCCGATGCCTCATTGTATTGGAAT
GAGGATGGGGAGGATGGAATGGTTTTACCTTGGGAAAGAGAGGAGGAAAGGGGTGAAGAGGAGGAGTGT

GGAAGGGGGTCTGAAGAGGAGAAAGATGAAGGCTCCGACATTAGCTGAATTGACTATTGAAGATGAGGAGCT
GAGGCGATTGAGGAGAATGGGGATGTTTATTAGAGAGCGGATTAATGT

>trans_s_5651 DQ996280|Lycoris aurea mutant type III chlorophyll a/b-binding protein mRNA,
complete cds

CCGGGTGGTCCCTAAGCTGGGTCCCCTGATCCACCCAAGAACTTCTCTAAGCCCCAAAAGTATTGTTTTCCCAT
GGACCTGGCTTGGCCCAATCTTGAAATCTTCTGTGTTTCAGCAAAGCCCATCAGAGCCATTTCCAATACAAAGA
GTGTGTAAGGGTCTGCCCAATAGTTGTAGGTCCCTGCTGGTGGGATGACCCCTGTTTTGAACCATGGGAGGG
CTGTTTCTGGTGGGATCAACCCCACTGATCCAAAGATCTCT

>trans_s_5652 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

GCAAATAATATCCAAATACCAAATTTTCCCCCTATATACCCTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGGAAGATCA
AAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCAATAATTCCGAATTTAACCTTTAAAAAGAGCACGT
ACAACGTCCCCACACCCGTAGATTGGGACCCCGGGTCGTACTTCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTAC
CGATGCATTTTGACATCCACAGCTTCGGCAGATCGCTT

>trans_s_5653 HQ437936|Ternstroemia fragrans voucher LP160 ATP synthase beta subunit (atpB)
gene, partial cds; chloroplast

ACAATTTCAAGCACTATTTGACTCTCTTTTCAAAGTCCTTTTCATCTTTCCCTCGCAAGCACGTCTTGTTCAATTA
CATCTCGGAAATATTCCGCCATAGTTAGGGCAGTTAAACCAACTCTCATACGAGCTCCCGGCGGTTCAATTCATC
TGACCGTAGACTAGAGCCACTTTTGATTCTGCAATATTTCTTCATTAATTACTCCGGATTCTTTCATTTCCATGT
AAAGATCATTTCTTCACGAGTACGTTCAAGATGA

>trans_s_5654 Novel Gene

GGACCTACGGGGGCCGGATGCGGGACGCTGACTCTTGTCCTGCTTGGAAACCAAATGATGAGTGTTTTCCAA
AGAAGACGCAACCATGATGTGAACCGAACAGCTTTTAGCTATTGGGGATTAATTTTGGTCGAGGATGGTTCTT
TCTTTCTTTCTTTTATTATTATTATTATTTTGTGGGTTTTGAACTCTCGTCTTCTCAATAGATACACCTACTT
GACTTGGCCAAACGGTTGCCGCATGACATGTACGACC

>trans_s_5655 XM_002958627|Volvox carteri f. nagariensis NADH:ubiquinone oxidoreductase 49
kDa subunit (nuo7), mRNA

TAATCAAATGCCTAGTGGGATGATCAAAGCCGATGATCGTAAGCTATGTCCTCCATCACGATCTCGAATGAAA
CTATCCATGGAATCCTTAATTCACCATTTTGAACCTTTATACAGAAGGTTTTTCTGTACCAGCTTCTTCTACCTATA
CCGCAGTGGAAGCACCTAAAGGTGAATTTGGTGTCTTTCTGGTCAGTAATGGAAGCAATCGTCCTTACCGTGT
GCCATAAACTACAAGTTAGGGTAAACGGGGTGTTCA

>trans_s_5656 Novel Gene

TGTCGTGAGGTTGCATTCACCTACCAAGATATCGCTCTACAGATTTTAATCTTTACTCCCCCTCTTCCCCTCACTC
TCCTTTCCCGCTCCGTGGGATTCACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACTCGGCCTGGTCCAACCTATTTCTGAT
AGTCAATATAATGGAAAGGCGAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGGCGGACACCTTTTTT
TGTTATCTAAAGGCTTTGACTCACAAGTGGGGAGGT

>trans_s_5657 XM_003058275|Micromonas pusilla CCMP1545 NADH nitrate reductase (NIA1), mRNA

ATGGGCTATGATTAGAAAAGAGAGAGGGCTCGAGTGGGATTCGAAATTGAAATTCCTCTCCGACTTTTTTCCGA
GAAAAGCGATCGATAGAGGAGAAGAAGATTGGTTCAAGGTGCCGCCGTCTTCTAATGATGGCTTTGGTATCT
TCTGAACCTTCTCTATCTTCTTTCGCATCTGTTTTCTTGATTTCTTTGGATTAGGGTTTTCTCTCACAGTGAC
GGGTTCCCTTTAAATTTCTATACACTTGATATGAGCCCT

>trans_s_5658 GQ998438|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 acetyl-CoA carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

CCTATCCCTAACTAAAAAAGTGTCATCAGATATGAAATCCGAATGCCGACTAAATCATCAACAGTACTGTAAC
TAGAATTGTAATATCACTATGACTAGGAATGTTTTATTTCATATTATTTATAATTGATCCTTCACCTTCAATAGG
ACCAAGACTATTGATTGATTTATTTAGCCTACACCTGTATTCTAACTTCCCTTTAGACAACACGACTGTCCCTGT
TAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATA

>trans_s_5659 GQ997940|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 clp protease proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

AGGTGATTGTGCTCATTTTCGGGTTTTCAATTTACTTCATATTACTCGATTGATTAAGTTTCTATCAATGCTA
TTGATAAATCGAATATGATACAAGTAGTAGTAATCATAGAATAGATAGATTCCAAATTGAGTTTTTCTAAGCG
GAGCCTGGATACTTCATTTTATTAGTACAACCGAGAAAACCATAAATTATTCTAATTGATAATATTAATCTGGA
TACCCCCCAAAAATAGATCTAATCATGTCCCACG

>trans_s_5660 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CACCTACAAAATAAAACGTCGCGCCACGGGTGAATTCAATAATAGAGGCCTGTTGGCATTCCAGCCTTCCTTC
TCCTTTCAGGGCCTACCCCAAGAGAATCCAGTGTTTCTTGTCGTGAATATCTGAATAGGACGAACCGCCCC
GTGGTTTGCTTCGGAACAAAACAATTAGAATTAGGCTCGTTGAACTGGAATGTGTATTATCCATATAGGGGAT
CTTTCATGGAGAAGATCCGTCGATGATTCACGAAGAGA

>trans_s_5661 FJ467933|Carica papaya transgenic cultivar Rainbow beta-glucuronidase (uidA), coat protein, and neophosphotransferase genes, complete cds

CAATTGACATAGACCAAAGTCATCTATTAATAAAGGATAATGTGTCGGAAATGGCCGGGATAGCTCAGTTG
GTAGAGCAGAGGACTGAAAATCCTCGTGTACACAGTTCAAATCTGGTTCTTGGCACATCATGAATTTGTATGA
GTATCTATTCTACGGATTCATTAATAATATAGATCATGAAAAATACTGATACATGATGATGTCTGGAAATCTAC
CCTTTAACTAACTATATATATGGGGGCAGAGGAAAACAC

>trans_s_5662 AY968404|Coccinia sessilifolia 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AACCTGTCTTAACAATAAATCGTGGGGCTGCATTCCCAAACAACCCGACTCGTTGACAGCGCCTCGTGGTG
GACAGGGTCCGAGCGCAACGGGGCTCTACCCTCTCGGGCGCCCCCTTCCAGGGGACTTGTGCCCGGTCCGC
CGCTGAGGACGCTTCTCCAGACTACAATTCGACGTCGAGGACGCCAGATTCTCAAGCTGGGCTCTCCCGGT
TCGCTCGCCGTTACTAGGGGAATCCTTGTAAGTTTCTTTTC

>trans_s_5663 AB082376|Pisum sativum mRNA for elongation factor EF-2, partial cds

TATGTTAAGAGCGTCCAGAGAACTGTCATTTGGATGGGAAAGAAGCAAGAAACAGTGGAGGATGTGCCTTGT
GGTAACACTGTTGCCATGGTTGGGTTGGATCAATTTATCACTAAGAATGCCACTTTGACGAATGAAAAGGAAG
TTGATGCTCATCCAATTCGAGCCATGAAGTTTTCTGTATCTCCTGTCGTGCGCGTTGCCGTTCAGTGCAAGGTA
GCCTCTGATCTTCCCAAGAGGTGGGAAGGACTTTTTTGA

>trans_s_5664 X60794|*B.campestris* mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

GGTGCCCATCTGTTTACTGTTGTCAACTAATCTCTTCAATCTTCAGTTCAATTCGACTCCATGTTAGAACATTTCT
GTTTCATGCTCTTTTTCTTTAAGTGGTCTTATTCTGTGTCCCGTGCTAGGAAGCATTATTCTTCTTTTCATTCCAAA
TTCAAGAATACGACTGATACGATTGATTGGTCTATGTGCCTCTCTTATTACTTTTTTGTATTCCCTTGTTCTTTGG
ATACAATTCGATTTCTCTGTAATTGGGCCC

>trans_s_5665 FJ895902|*Cynomorium songaricum* voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

AGTTGTGTACACTGCGCTACATTTGTAACGGGTATCAAACGAAACCTGTATTTCGCGGATAACTGCTGAAAGCA
TCTAAGTAGTAAGCCCAACCCCAAGATGAGTGCTCTCTATTCTAGTTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCACAGCCC
AGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAAGGTCAC
GGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTG

>trans_s_5666 EF440353|*Hordeum vulgare* ferritin 1 (Fer1) mRNA, complete cds

AGAATCGATGCGATGAGATCGATGTTGCCGAACTCCGATCGATTCTTCTTAAGACCCGTGATGAATCTGTCCA
ACTCGCTCTCTACAACACTTCGGTTCACCCGCCAGTCACGGAATAGTAATCGGATGGGAGCACAGTTCTATCG
GGGTTTAGGGGGATTTTTCTGGTCGGGAATCCTCATCTGGTTCATGATTCTTACTGTGTGGTTGATTGAA
ACGGGTCTCTGAGGATTTCCAACCTCTTAGGAAACGTCT

>trans_s_5667 AJ429671|*Vahlia capensis* chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene (partial) and tRNA-Met gene

TGAGGAGAAAGGGAGATGGTTCCATGTGCTCTGTTTCACCGCCCCAGCCTAGGCTCTGGAGCACTACCAAAGT
TTTTCAAAGAAGGGGTTATCCTGACGTAGGTATGCTTCTGACCTAGATCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTAT
CGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAACTTCATACACCTTAAAGTTGTTTATAAGATAGGATCAATT
CCTTTAACATTACGCTTGCGACCATACTCCCCCGG

>trans_s_5668 AY242048|*Cyperus papyrus* internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

AAGAGGAAGAAAGGGAACTTCAAGACTCATAAGTGCTCTTTCAGTTTCATTCTCTTTAGAGCTCCTCTATTC
ATTGATTCCTTCTTCATATCAACTTTTTAGTTTTCCACTAGGCGGGATCTCCGCGAAGCTGCAGGATGGCTTGG
TAAGCAAGCAAGCAGTTATGTAGGCGCCAACTCCAAGAAGAAAGAGGGAGAACTAACAACGACTCTC
GGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGA

>trans_s_5669 AF179385|*Pyrus pyrifolia* cultivar Gamcheonbae 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATAGGGTTCGATTCCGCACACGGAGCAACAGAAAACGGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAA
ATTACCAATCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCGCCACATACCGGGCTGAAGCAGTCTGGTAATTGG

AATGAGTACAATCTAAATCCCTTAACGAGGATCAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCAACCAGCCGCGGTAATTC
CAGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAAAAG

>trans_s_5670 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AGACTGTGAACTGAATAATTACGAAATACTCATGGTAACCATTCAAGCAGATGAAATTAGTAATATTATTCGT
GAACGTATTGAGCAATATAATAGAGAAGTAAAAATTGTAAATACCGGTACTGTACTTCACTGCTTATCACCGT
AACGAGGTATTTATGGTCTTGATGAAGTAATGGCAGGTGAATTAGTAGAATTTGAAGAGGGTACTATAGGCA
TAGCTCTAAATTTAGAATCAAATAATGTTGGTGTGTA

>trans_s_5671 Novel Gene

GTCTACAGATGTCTAATCGGGGGGACAGTAAAGATTAGATCAAATGAGAAAGGAATAATAGTAGGGTTATGT
GATAGATACTATCTTGATTCTCTATTTTGAGACTTTTTACTTAATGTAATGAAATGCAGGACAACAAAAGAAAG
ACTAGGTCTTATTATTCCTACATGTTACTAACATTCTTTTGATACTTCCAAGAGTTTTCTGCCTCTTTATTTATT
TGTAAGTGAATTTTTTCGCGCGCACATCAATAGCG

>trans_s_5672 DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K
(matK) gene, partial cds; chloroplast

GTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAATTCGCTTTAGCCAATGATCCAAGCAGAGTAATA
ATAGGAACTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAAATGAATTTTCTAACATCTGAGTCCATAC
CACTGAAGTATTTAATCGAACACTTGAAATATAGCCCAAAAAGTCAAGAGAACGCTTGATAATTGTGCGCGC
GCTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCCA

>trans_s_5673 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGTTAGTAAGAGGGATCTTGAAC TAAGAAATAGATTCTAGAAGAGCCCCTAAAAAAGGGTATCCTGAGCAAT
TTCAATAATCGGGTTCATTGATATTCCTTCATATCATCTACGATAGTGTGTATGTTAGTATGAGTTAAGCTACCT
TAACAACTAGAAATTTCTCTAGAAGAGTCTCGTGTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACC
ATCGCAATGCTTTGTTTTAATTAAACAGTCGGA

>trans_s_5674 AY173934|Cucumis sativus ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast
gene for chloroplast product

GGCTGGTTGTTCTATCGGGTGAGGTATTTTATTTACTTGGACTTGCTGCTCTTGCTTTTTTGAATTATACGAAGC
TTTCACTCCTACAATTACTTATTCGTTGGGACAATAACCTATGGGAACCTAACTAACTCCTACTCCGTATAGCA
TACTGACTCGCTTCTTCTTCCCTTTCTTAGTCCAATCTCGAATGGAACTTTTTTTTTAGGATTCTTACAACATA
AAAAAATTTCCCAAAACCCCGACTTCT

>trans_s_5675 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

CGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTAGAAATCCTACTTTCATACAATATCTTAATGGAATTATATGTAATG
ATCAATAAATTGAGTTTAATTGGATCAAAAAACGTATCAAAATCTGAGCAACAATCTAATTTATTCTATAAATA
TTTGTACTGGAATTGACGACTAAGCACTACCAATATTAGTGTATTAGTGTGAATATAAATGGGGCGTGGCC
AAGTGGTAAGATCACGATAGGTGTCCCTGTT

>trans_s_5676 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TGGGGTGACGGAGGGATCGTACCATTGAGCCTTTTTTCTGCATCCCCCGGAGGTCTGGAGAAAGCTGCA
ATCACGCTTCGGGGAGGCCGAAGAAAGGAAATCCCTAGAAAGGAAGAACGTGAAATTCTTTTCTTTCTTCC
GCAGGGACCAGGAGATTTGAAAAAGGATCTTAGAGTGTCTAGGGTTGGGCCAGGAGGGTTCTTAACGCCTT
CTTTTTCTTCTCATCGGAGTTATTTCAAAAAGT

>trans_s_5677 AY173934|Cucumis sativus ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

TTTTATCTCATTTTTTATGTTGTAAGAATCCTAAAAAAAAGTTCCATTCGAGATTGGACTAAGAAAGGGAAG
GAAGAAGGCGAGTCAGTATGCTAATGCCTCATCCTCAATAGTTAGGTTCCCATAGGTTATTGTCCCAACGAAT
AAGTAATTGTAGGAGTGAAAGCTTCGTATAATTCAAAAAAGCAAGAGCAGCAAGTCCAAGTAAATAAAATAC
GAAAAAAAATACGTAATTTACCCCTTCTCCCG

>trans_s_5678 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTCTGCCAGTGCTCTGAATGGAGCTGAATCAGTAGCAATT
ACAATAGACACAACAGAAACAGGTCATGAGAAGAACAAGATGATGAACAACAATAATTGGATAAGAGAAGA
CACAGATTTTCTAATGGTAGTAACGACATTCATTGCAACCGTAGCATTTCAAATCGGGACGAACCCGCCCCAC
CGCATACCGTTCTTCTGCTATTTGTCCCCTTTA

>trans_s_5679 FJ535839|Codium simulans 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TCGGGTGTAGAAACCATATCTACCACGGGACTTAACCCAACACCTTACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCA
CCACCTGTGTCCGCTTCCATCCCGTTAAGGACAGGTTTTCTTGTTTCATATGTCAAGGGCTGGTAAGGTTCTTC
GCTTTGCATCGAATTAACACATGCTCCACCGCTTGTGCGGGCCCCCGTCAATTCCTTTGAGTTTCATTCTTGC
GAACGTACTCCCCAGGCGGGATACTTAACG

>trans_s_5680 Novel Gene

CCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCGAGAGAGAGAGAGAGAGAAGAACGA
AGGCAAGAAGAAGGCCAAGGAAAACAAAGGCTTTAGAACTCATTTTTGTGTGTTAGTAAGAGATTGATTTTA
GCGATCGGAACCTGTGCGGATTCATGATAACATCAAAGTGTATACAGTCAGTGGATTGACAGACATGAATTT
CTATCGTCACCTCGCAAGGATTCCCCTTGTC

>trans_s_5681 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TAAATTAAGCCCTAAAGTTAGGGATTTATCAATCGGTAATGTTGCTCCAATACCCAACCAAGAGCTACTGC
GGTACCAATCAAAAAGACGGTTGTCGCTACTGGACGACGAAATGGATTTTGCAATGCAGTAGCATTCAAGTA
ATGTCCTTTGATTTACCTGTTTCAGCCTGTGATTTAAAATAGCTTCGCACAAAATAGGAAACGGTCTCTCCA
ACGCATAAATGGTTGGGAATTCACGTTTTC

>trans_s_5682 AP009373|Draba nemorosa chloroplast DNA, complete sequence

TCCACCGTAAGCCTTTCTTCGTTTGAAGAAATGGCAAGATAATTTGTGTATACCAATGGAGGAAATAAATAAA
AAATGTGGAAAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAACACTGTAGACCAATTGAAAGGGATGTAGCGCAGCTT

GGTAGCGCGTTTGTGTTTGGGTACAAAATGTCACGGGTTCAAATCCTGTCATCTATCGGTATTTGGTTACTAAT
CTCCGTAGCCCCCGCGTTGCGGGAGCTTTCGC

>trans_s_5683 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CTAGGTATCCACCGTAAGCCTTCTTCGTTTGACCCTCTCCCTTTTCTTTTCCCTATGCCATCCTAAGGTGCTGC
TAAATGGAAGGATCTTATCAACGTCCATGAATGAGAAATCATAGATCGAACTGCCGAATCGGAAAAATGGAG
TGCTATCATTTGACCATGCCCATAGAGCACCATACCATTTCGTAAGTTCGTCATTTGCGCCCATCATGTCCTTATA
AGTGGACAAGTCCATCGACTACGCCTT

>trans_s_5684 AY110442|Zea mays CL1457_1 mRNA sequence

AAAGGAAAATATCCATTTAAAAGCTATTGAAAACAACAAAGCCAACAATGTCAAGACAGAACAATGGAGCTG
AATCAGTAGCAATTACAATAGACACAACAGAAACAGGTCATGAGAAGAACAAGATGATGAACAACAATAATT
GGATAAGAGAAGACACAGATTTTCTAATGGTAGTAACGACATTCATTGCAACCGTAGCATTTCAAATCGGGAC
GAACCCGCCCCACCGCATACCGTTCTTCTGCTA

>trans_s_5685 EU369706|Triticum aestivum cultivar Aroona-B3a low molecular weight glutenin
subunit (GluB3-5) gene, GluB3-51 allele, complete cds

TATTAATGGACGTGCGCCCATGGATCCTGAATATAACCAGGCATCGATATGGTCAATGCATCATCTACACCATC
TCTCCACCATCCATACGTACATACGTATATATACTTACAACATCCGTTTCATACATTCCCTTTTACCAACACAAAG
CTCACAGCAAGCACAACCTTGACATAATCCTAAAGAGCAAACAGAAGCAGCATGTACAGCACAGCCAGGGAC
TAAACACAACCACGTTAATTTTAGCTTACA

>trans_s_5686 AY523534|Fragaria x ananassa 16S ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast

AACTCGGGACCCTAAACACGGCGGACTTAAAAAGCCACCTACAGACGCTTTACGCCAATCATTCCGGATAAC
GCTTGCATCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGATGTGAGACCGATTAGCATCCGCTTTTGAGCGTTACTGCCAT
CCTCCTCTTAAAGGGGAGGATTCACGACCCGTAGGCCTTCTACCTCCACGCGGCATTGCTCCGTCAGGCTTTCG
CCCATTGCGGAAAATTCCCCACTGCTGCCT

>trans_s_5687 NM_125346|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family
protein (AT5G59540) mRNA, complete cds

CGGCGTGTCCGCAACCGGAGCTGACATGGGGAACACAGATCATACGGATAGTAGTTTTTTGACGGTGCTTTT
GCAGGATGAGTTGGGTGGACTTCAAGTCCGCCATGGGGATCGTTGGGTTGATGTTTCATCCCATCGAAGGAGC
TTTTGTCGTTAACATTGGCGATTTTCATGCAGATGGTGTCAAATGATAGGTTATAAGTGTGAACCATAGGGTTC
TAGCAAACAAGAAAGGGCCAAGAATCTCAGT

>trans_s_5688 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

CTCTTCTACTCTTAGATTATGGCCCAGAAACCGAGTTAATAGTGAGTCATTAATATTCATAAAAAAAAAAATATA
TACGTCCAACCAATTCTAACTATACAAATAATTTTTTTTAACTATGTTTAATGGATACTTTTAGCTCATGATTCT
CGGGCTAAAAAATTTGATACTAAGGAAAAAAGATTTTAAAGCTGAAAATGTCAAAAGCTAAAAAGTGGTTGTT
GACAAATAGGGTTCGCGATTGCTAGAC

>trans_s_5689 EU036358|Glycine max marker SN005 genomic sequence

ACACGAGTCTATAGCCTTGCCGACAGGCCCGGGTAATCTTTCTTTAAAGTAGCACTACCCCTATCTAGTAACG
TTAACAACCAGAAGTTGCTGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTT
GTACACACCGCCCGTCGCTCCTACCGATTGAATGGTCCGGTCTTCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGA
TGAACGCTGGCGGCATGAGGCCACACGTA

>trans_s_5690 NM_180137|Arabidopsis thaliana SPL1 (SQUAMOSA PROMOTER BINDING PROTEIN-
LIKE 1); DNA binding / transcription factor (SPL1) mRNA, complete cds

CAAGTGTAACCCTGTTGCCGTTTCTACATCTAAGAAGGCTATATTTTCAGTCAAAGGAATAAACTTGAGCCAA
CCTACAACCTAGGTTACTCTGTGCAATTGAAGGGAAATATCTAACTCAGGAAGCTTCAGATGAGTCAACAGAAA
GTGATGATAACTTGAAAGCGCAGGATGACAGCCTATGTGTTACCTTTTCCTGCTCTATTCTGTTGTCTATGGA
AGGGGATTCATTGAGGTGCTAATAAAATA

>trans_s_5691 AF487258|Stephanandra tanakae isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE)
genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

TACAACTTGAAGTGCTCTCTCCCTCAAGGAGGCAGCGGGGATTGACTTCCCCTGGGGGTACCATAAAGTAAA
AGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGAATTGATTCTTCCCGGTCGATGCCCGAGCGGTTAATGGG
GACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCAAGAACCACTCTC
GGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATG

>trans_s_5692 AY189050|Bolax gummifera 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

AAAAGAGAAGTCATACAAAGTTCGGTTCTTTTCATGCAATGCATAAGGGGCGGGCCTCCTTCATCAAGCCTATC
CTCCAACCTCAATGAATAATGAATGAAGGGAGGAGTATGAGGAAGGCTGGCTTTCTATATTCAGACTCCAAATA
TCAGAAGGCGGAGGCTGGGTCAAAGCATAGACGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAG
GGACCATCGCAATGCTTTGTTTAATTAACA

>trans_s_5693 AJ274402|Cunninghamia lanceolata chloroplast trnD-trnT noncoding spacer, isolate
L106

ACAACCTGAAGTGCTCTCTCCCTCAAGGAGGCAGCGGGGATTGACTTCCCCTGGGGGTACCATCAAACGGG
GAAGGACCAGCTGCAAGCCGCTGGTGGATCCAAGGCCAGCCTCTCCCGGGTCGATGCCCGAGCGACTAATGG
GGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCAAGCCTTGGCCG
TACAGCAGCCTCTTACACAGAGACTGAGGTGT

>trans_s_5694 DQ296038|Arachis hypogaea chloroplast photosystem II 10 kDa protein mRNA,
partial cds; nuclear gene for chloroplast product

AATGGTTCGATGAATTTGAGGGATGGAGTTGATGCATCGGGAAGGAAGCCCAAGGGAAAGGGAGTGTACCA
ATTTGTCGACAAGTACGGAGCCAATGTCGATGGTTACAGTCCCATCTACGATACCAAAGACTGGTCTCCAAC
GGTGATGTCTATGTTGGTGGTACTACTGGGTTAGCCATTTGGGCAGTGAAGTTGGCTGGTCTTCTGCTGGAG
GTGCTCTCTCCACACGTGGTGTGACAGAACAA

>trans_s_5695 AY865171|Lactuca sativa chloroplast inversion region

ATCGATGGCTGATAAGGGAGCAGAGAGCTCCATCTACATAGCGGGCACGACCCCCCTAAAAAAGAG
GCTCGAGTGCAACCGAACAACTATGTCGAGTCAAGAGCATCTTCATTCCTATATAATATAAAATGGTGGGTG
TAAGAATCCACAGTGGATCATGTCCTTCAAGTCGCACGTTGCTTCTACCACATCGTTTTAAACGAAGTTTTACC
ATAACCTCTAATTTCTTGGAAGTGGTATG

>trans_s_5696 HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)
mRNA, complete cds

GAAAATTCGATCTTGCTTGAACCTTCAGCCTCTGATGATGTAGAAGGGTTCAAGAGAGAGGTTGAAGAAAAG
GATTTGGATGTTGATGAGCCGAGCTGCTGGTATGGAAGAGGAATTGGATCAAAGAAGATGGGCTTTGAAGA
AAGAACTCCGTTGATGATTGCTGCCATGTTTGAAGCTCCAAGGTTGTCAAGTACTTAATTGAAACAGGCAAG
GTTGATGTCATGTCTCGGACACCAACAGATTTG

>trans_s_5697 X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

ATTCGCCATGCACTCGACCCAAGTGAACGCTACACTCTGTCAAGCCAGGTATAGGCCACACCCGCAATCGAAG
TTTGAGAGGAGCTGTCCTTAGTACGAGAGGACCGGGATGGACACACCGCTGGTGTACCAGTTGTTCCGCCAG
GAGCATGGCTGGGTAGCTACGTGTGGTAAGGATAAGTGCTGAAAGCATCTAAGCATGAAGCCCCCTTGAGA
TGAGATTTCCCTTTCCTTCGAGCAAATAAGA

>trans_s_5698 M37430|Pea Chloroplast 4.5S, 5S, 16S and 23S mRNA

CCGCCAGCACCTTATGAGAAATCAAAGTCTTTGGGTTCGGGGGGAGTATGGTCGCAAGGCTGAAACTTAAA
GGAATTGAAAATTGAGTCACGTAGAGGAACACACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGG
TGACGATACTGTAGGGGAGGTCTGCGGACCAATAATCTCCGACCCGCACGAAAGGCGTAACGATCTGGGCA
CTGTCTCGGAGAGAGGCTCGGTGATTATCTG

>trans_s_5699 AY103570|Zea mays PCO088401 mRNA sequence

ACAACACACGTGTGTACACCACATCTAGGATACGGGTTTTCTAGTCACAGCCTCACTACCCCATGAGTAGTTT
CCCGTATCAAGTCTAAAAGCTCGCCACTTCACATTACCCCAACGAATCCTCCTGATTGACTTGTCACTG
GATAACTTGTTGTTGGCAGGTTGCCTTCCAAGCTCATACTTTCTCTTCTCAGAGCCAATCCTTTTCCCGAGG
TTACGGATCCATTTGCCGACTTC

>trans_s_5700 XM_002866197|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 23,
mRNA

GGTGATGGCTTGCAAAATCTTGGAACACCTGTTTTCTCAACTCAGTGTTGCAGTGTTTGACATATACAGAGCC
TCTGGCTGCATATCTTCAAAGCGGGAAGCATCAAAATCTTGTCATGTAGCTGGCTTCTGTGCTCTATGTGCCA
TCCAGAAGCATGTCAGCCGAGCTTGCAGTCAAGTGGGAGAATATTAGCACCAAAGGATCTGTTTCTAATTT
GCGGTGTATATCTCGAAACTTCAGAAA

>trans_s_5701 GU397098|Begonia johnstonii voucher Royal Botanic Garden Edinburgh 19990653
tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

AAGAATGGATAAATGCTCCATAGATAATAATAAGAAATAAAAATGACATTATGGAACAAAACACTGTATCGCA
CTATGTATCATTTGATAACCCAATAAATCCATTATCGTATCCCCAGTTCAAATCAAATTTTAAATGGAGGAATT
TAAAGGATATTTAGAACTTGAGAAATCTCGGCAACGGTCCTTCTCTCAACACCATCAGAGATTACCATTTCGC
AGATTAGAGATACGATCGTCTCCAC

>trans_s_5702 NM_001051878|Oryza sativa Japonica Group Os01g0938900 (Os01g0938900)
mRNA, complete cds

AACGAGGTTGTAACAGAACTAGAACAGCTACAAGATCCGACATCCATTAATATCAACAGAAATTCAAAACAAA
ACCGCATGGCTCGCAGACGTAGTGCTGACGATGCCAATATTCATCGTAGTGCTCGCGCTGTTTACCTGATTAT
ACATAAGCAGATGTACGTGATACTTTTACAACAAAACATAGAAAAGTAGCGGACACATATTATAGTTGAATGA
ATTATACTTCTCTTGCTATTACAATCTC

>trans_s_5703 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

ATGTAGATCATGGTCTATTCATGCAGAGCCGGAATCTAGCGATTATCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATT
CGTTCCCGGGCCTTGACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTTACCTTAACCG
CAAGGAGGGGGATGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAGTCGTACACCTCACCATCAGAGATTACC
ATTGCGGAGATTAGAGATACGATCGTCCTCC

>trans_s_5704 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGTTTCACCCAAGCTTCATCCTGGTCATGGATAGATCACCCAGGTTCCGGTCCATAACGCAAGATACTATCATT
ACCGCCTGGACAATTAGACATCCAACCCGTAATCGCAACGACCCAATTGCAAGAGCGGAGCTCTACCAACTGA
GCTATATCCCCCGAGCCAAGTGGGGCCTGCATGAAGGAGTCAGATGCTTCTTCTATTCTTTTATTCTTTTCCTT
GGCGTAGCTGGGCCATCCTGGACTTG

>trans_s_5705 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

GCTCATATTCCCGCGGTTAAAAATATCTCAAACGGGGTCGCCCAGTCTTATCTATTTTCTATTTTGAAATA
CTTCTAATTGATTTCTCAGATATCATGTTTACGTATGTATAATCGCTTATGTTTGGAGTAAGCCACATGTTAGA
TTCTAGTCTACTAAATAGATAGCTGTGTTATCGTCAAAGTCTAAGTTTTGAAAAAGATGTTATCCCATGCTAAT
GTATACAGAGCGTAGGCTTGCTTT

>trans_s_5706 FJ911553|Cucumis sativus sedoheptulose-1,7-bisphosphatase (SBPase) mRNA,
complete cds

CCGCTCCCTTTCCTGCAACTTTCAGCTCCACTCCCCCTTCCATGTCCAATCAACACTAGCAGCAGCAGGTTGA
GAGAATCAGCGTCCTTTCATACTTGGGTTGGCTATGGAGACTGGAATTGCTTGCTGTGCTCGCGGGGCTTTT
CTCCCCAATCTTTCTTCTCAGCATTCAACTGCTCTTATGTCTCCTTCTTCGCCACCAGGAGTCTCCCTATCTGG
ATAGTAAACCCCTCAACGGTTTTA

>trans_s_5707 AY616745|Fritillaria tubiformis 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCTTATTCTAAACAACAAATGCATCTCAGGAACAATATCCCCATGATTTTCTTCACTGTAAATCAAAGTGCAAG
GATAACAAAATAGATTGTTTCATCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTGAACCT
CTCTCTCTCTGTTTTGTCATCAAGGGTGAATGGATTAGAGATCAGACTCGTCATCGTTTTTCATCATCACAGA
GAAAAATACGAATGCCCCGACTGC

>trans_s_5708 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

CCAGGGGAGGTTTCGCCCAGGGAGTGACGAGAGAACCTGAGATCCGATGCTTTCAATCAGTCGAAGGAG
CGGCAAGGGAAGGTCCTCTCGGCTCTTAGTCAAAGCTATCTCACTCTAACGGCGTACCTTTTGCATGATGGGT
CAGCGAGAAAATGGGAAAACGCCAGGAAGCCATTAGGTGTAGGCGCTTCCAGAGGTGGAAGATTCTCGTTC
TTCCTATTTGACCCGAAACCGATCGATCTAGC

>trans_s_5709 AF502577|Chlamydomonas reinhardtii epsilon-tubulin gene, complete cds

TGAGGCCCATGCGGAAACGCTTTTGAGTCAGGAATTAGATTTTGAAGGGTTTTTAAATTTGGGGTTATGGCTA
TTCCTTTTACCGTCGATTTATTGGGTTCGAGAAATCCGCCATGGAAACCGGCATTGTGGTGCCTTCTTCTACT
CCATCTGGCCTTTTGGCACCGCCATTGTCATCTGGGATTTAACTCAAGACGAATTGAAGAAGATTGCTGCGA
GCGGAGCTGAGCTTATACAGCTCGAAT

>trans_s_5710 Novel Gene

ATAGAGTTAAACCAAGTAAGATTGCAAAGGCATAATGATAAACAAATCCACTTTGAAGTTGACTTATCCACCC
AACACCGAGTCGGAATGTGTACGAGATACCATAGGGGCCCAATATCTCAATAGCACCTTTGTCTAAAGCTGAG
AATGACTGACTTATAGGTTTTTCGAGGAAGGATCTGACTAGAAAGTCATTCAAACCTTGATCGAAGAACCAGC
GTTTATTGAAGAAGCTATAAAGTCGATT

>trans_s_5711 GQ998345|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 RNA polymerase beta'
subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CCCTAGGGGTTATCGACTATTATGATTTTTGCGATTAGATGGATTATACCGATTTGCACAAATACCTCGGCGAT
TCCCCTCGTTAATACATAGAGTCCAATAAGCATATCTTGAGTTGGTACAGAAATGGGATCCCCAATAGCTGA
AGACAGGAGATTCATATGAGAAAACATAAGTAAACGCGCCTCTGCTTGAGCCTCCAAAGATAAAGGTACATG
AACAGCCATTTGATCCCCATCAAAGTCT

>trans_s_5712 X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

GAGGGGGGTATGAAGCGTGGAAGAAGTGAAGAAGTGTATGATACAAGAGGTAACCTTAAGTCAGGAGTG
GCGGCAAAGCTCTTGATTGATCAACGCGAGTGAAGTGTGCTTAGACGCTTCGTAAAACCGCACCGATGACGG
AGAGGAGCTGATGGATGAGTAGGCTTCCCTTTCTCTTACGGAATGTGATTTGGGACACGATGGGAGTTTGC
GTGCCTCGGTAGGTTTCTCTAGTGGCCAGGC

>trans_s_5713 AB082376|Pisum sativum mRNA for elongation factor EF-2, partial cds

CACCCAACACTTGAATTAGCGGTTCTTGTTGGATCCTCATATGTGGCCATAATCACATTGGCATTCTCAATGACC
CTCTGGAATGTTTGATAAGCCTCTTCTCCATCCACTTGAAGTTCAAGGAAGCACCTATCCATCTTGTTAACAGTC
AAAACAGGTCTAATCCTCTCTCCCAAAGCCTGCCGGAGCACAGTCTCTGTTTGGACACAAACACCTTCGATGCA
ATCCACCACAACAAGGGCACCATC

>trans_s_5714 AF123773|Cabomba caroliniana ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds;
ribosomal protein S7 (rps7) gene, complete cds; and NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) gene,
chloroplast genes encoding chloroplast proteins, partial cds

CCCCTGTAGTAGGTATCTGGTTCACCGCTTTAGGTATTAGCACTATGGTCCCTGGTCCAGCTCTAGAATGTTTC
AGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTATGAAATATTT
ACTCATGGGTGGGGCAAGTTCTTCTATTCTGGTTTATGGTTTCTTGGCTATATGGTTTATCCGGGGGAGAGA
TCGAGCTTCATCTTTATCAAAGGG

>trans_s_5715 AF389249|Euptelea polyandra 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCAGATCTTGGTGGTAGTAGCAAATACTCAAATGAGAACTTTGAGGACTGAAGTGGGGAAAGGTTCCATGTG
AACGGCACTTGACATGGGTTAGTCGATCCTAAGAGACGGGGGAAGGGGCTGTCTGCCGCGACAGCGCG
AACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCTAAGGC
CTCTGCAGCCGCCCCGGAGCCCTTCTTGGC

>trans_s_5716 X80170|O.berteriana rpl2 gene

CGAAATCCACCAAGAGGTGCTGAGCATAAGGAATCGAAAGCAGAGAGGGATCAAGGTAGCTTACCTGCCAA
GCCGATAGGCCGAAGGGCCGAAGGATGGAGCGTGCAAAGTCAATCGTGACCTGTCACTTATTTTATAGCCAG
TCATAAATGTTTCAGCGGGCGGAGCACACTACTTATGCGATTGGTCCAAACCTTCGACCAGCGACTTATTGCGA
CCCGCCCTCCGTATTGCGTGCGCTCAGAG

>trans_s_5717 AB181026|Hibiscus tiliaceus chloroplast accD, psal genes for acetyl CoA carboxylase,
photosystem I subunit, partial cds, haplotype:B

AAAAATTTTTGTGGCACGGGGAAGAAAATGAATTCATGCTCCCTTCTTAACATTACATGTGTATATATACTTC
AACTATAGCAAATAGCGGCATAGAGTCTTGCATCTTTCTACATCTCTAGCGGATCTCTAGTTTTACTAAGAATC
CCTGTTGTTGGATCGGATTATAACTACCTTTTTGGGAATTTGTACGAAAATCTTTATGAATAAAATAATTAAAA
AAACAATACAACCCTTATTAATA

>trans_s_5718 AY972079|Glycine max chloride channel mRNA, complete cds

AGAAAGGTACTTAATGGGGTTCGCATACTTTACCACTGCCAACTTCCTTCTGACTTTTGTTGCTGCTTCTCTCTG
TGTATGCTTTGCTCCACCGCAGCTGGACCTGGCATACCAGAAATTAAGCCTATCTCAATGGCATAGACACTC
CTAATATGTTTGGCGCCACGACGTTGATCGTTAAGATTGTTGGGAGCATTGGAGCAGTGGCAGCTGGGCTAG
ATCTTGAAAAGAAGGGCCTCTAGT

>trans_s_5719 EF207456|Ribes americanum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GCAAACGATTGGACATAAGAGCGGATAACTGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCACCCCAAGGCAGACAT
CTCTTCGGAAGGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGG
GATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGG
TGTCCAGTGGAACACGTGTGATGTATGCAG

>trans_s_5720 AP009371|Capsella bursa-pastoris chloroplast DNA, complete sequence

AGGGTAAGACAATATATTTTCTAATAATTGATTGAGTTATTAACAAAGAACCTCTTATTACTTGAGCAAATCGA
ATGCTATCCCAGAGTTCTCCTATTTCTATACGTCTTTCTTAAGGTGCTTTCAACAACCTTTCTACTTTTTTGCAT
ATTTTCGCTTCTCGAACTTACTAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGT
AGCGAAATGCGATACTTGTGT

>trans_s_5721 EF371925|Arachis diogeni zinc finger protein mRNA, complete cds

TACTGCCACCGCTACTGCCACCGCCTCCGTCGCTGGAGCTAAATCCCACCAGTGCTCTATTTGTCACAAGTCTTT
TCCCACCGGTCAAGCCTTAGGCGGTCAAAACGTTGCCACTACGACGGCGGACTCAGTAACAACAACAATCAC
CCACATAGTCATCATAACAACAACAACAACAACAACAACGCCGCTCTCCGCCGTTCCGAAGCCGCTGCC
TAGTAAGAAGAAAGAAGAACCGG

>trans_s_5722 GQ997942|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

CAATATTGGGTCACTAGTTATCCTGTCTTGAAGCGGACTCAAAAGATCAACCGGATTGAGTTTTCACTATTATT
TTTATGTACTACCATATGTGTATTACCATAACACAGCCGATTGAGCACCTATGAGTGGATGGTTAGAAAACACCA
AGATATACAAAGGATTAGTAATGGAGATTTTCAAATTATCCAAAACCAAAGAGAGAGAAGGACCGGGGGT
AGTTGGCCCAGAGCAGTATTGTCAC

>trans_s_5723 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

GTCCCTGTCAGCCCCGTAAGCATAAAACATCTCAGAGAACTCCCCTCTTTCCACCTACTGCCGATTCCCCTC
CGCTCCACCTCTACCATCATCTCCTCTTTCATTCAATTCATAAACACAACAAATCCATCCCGAACTTGGTGGTT
AAACTCTACTGCGGTGACGATACTGTAGGGGAGGTCCTGCGGACCAATAGCTCGACGCCAGGATGGGAACTG
AACTGCAGACCCGTGACAGAGCC

>trans_s_5724 Z92948|Medicago tornata DNA for ETS

GTGTCATTGCGGGCCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTGGTGGCATGATAAGTCCCT
CGAAACGTGTTGCCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGATTGCTCCAATGCCGTTTGGCG
TTGGCATGCATGCGGCGACCCTCGGAAGTGCTCTTAGCTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTC
TCAAAGATTAAGCCATCGTACTGT

>trans_s_5725 AY108493|Zea mays PCO117005 mRNA sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAGAAACGGGATATGATGAGTGGTTGGCTCTCGCTATATATTACGCTACC
AAACACTCATTTTGGTTAAGTTTTACGACAATTGGGCACTCACATCTCTCCAATCTGATCCCCAGGTTGTGGCT
TGTTGGCTTAGTGACGGCAGAGTTGGGGGCAGACTCAATGCTGATTTCTCTGGGTCGCTGGTTCGATCTGT
TTGGGTATGAAGAAGAGGAAAAAA

>trans_s_5726 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

AGCAACAGGTGCGATTAGATAAAATAGGGCGTGAGGAGGGTCTCACACCCAATTCAGCAGTTACTGTAAAT
ACCCTGTCGCTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTCCTAAAGGGGAGGAT
TCACGACCCGTAGGCCTTCTACCTCCACGCGGCATTGCTCCGTCAGGCTTTCGCCATTGCGGAAAAATCCCCA
CTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGGC

>trans_s_5727 GQ983878|Heptacodium miconioides RNA polymerase beta subunit-like (rpoC2)
gene, partial sequence; chloroplast

AACACTTGTGGGAGGAAAGCGCGCTCCGTAGCAAGAAATTATATATTCCGTTAAGGACAGCCCCTCACGTAAA
TTGCTTTGAATGGGTAAATCAATCATTTGTCCTTGTGGATCTGACATTAATCCTCTCATACCTACTAAGTGGTGT
ACTTGAGATGCATTTCTCGAGCTCCCGAAAAAGACATTATATGGACTGGATTAAAAGGGTCAGTCATCCTAA
AATTAGGATTCATTTCTTGTCGG

>trans_s_5728 AJ717975|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BSTT2-43-240, cultivar Bright
Yellow 2

TTCGCTCTGGAAGCAGACAATTCTATCCAAGTAGCAAGGATTTTGACAGCGGAGTGGACAACCTTACAAAACC
AACATATTACGTTATATGGAGAATGAATATGAACACCCACATCTATCCAGAATCTGTTGTTAGCTTTAAGGTTG
CTCCCAATCCCAAAGTTGAAAGCCATACTAACGATGTTTTGGGGATCACTGCATCTCGTCAAGGGTCTCCCAAC
CAAATACAGTTGGAACCTCTCAC

>trans_s_5729 GQ983683|*Melanophylla perrieri* photosystem II cp47 protein (psbB) gene, partial
cds; photosystem II subunit T (psbT) and photosystem II subunit N (psbN) genes, complete cds; and
photosystem II subunit H (psbH) gene, partial cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCCAGTGCTCTGAAGCTATAATTGTAAACCGAAATC
AAATCTATGGAAGCATTGGTTTATACATTCCTCTTAGTCTCGACTCTAGGAATAATTTTTTCGCTATCTTTTTTC
GCGAACCGCCTAAAGTTCCAACCTCCAACCTAAAAAGGCAAAATGATTTCTCATTATTCTGGAACCTTTATATCTCA
CCAGAGAGAGCCTGTACAGT

>trans_s_5730 AB531023|*Malus x domestica* MdVOZ1 mRNA, complete cds

AACGCAAGAACTCCCCTTCAGGAGTTCATGGTATGGCTATGAATAACTTGGAAGGACCTACACATTTGGAGTG
TCATCAGCTTGATTTGCATCAGGGTTTTGAGCACAACCTTTACTCTGTCCTTAATGGTAGAGGATTGTGTGGGG
AGGGTGCAATTCCTCATGTTTCTAGCTACTGTCCCAGTATTTCCCTCCACCTGCTGCTTTTTTAGGTCCAAAAT
GTGCACTTTGGAATTGCCACG

>trans_s_5731 GQ199478|*Cichorium intybus* ribosomal protein S7 (rps7) and rps12 genes, partial
cds; tRNA-Val (trnV) gene, complete sequence; and 16S ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast

AACAACGACTCTCGGCAACCCTGTATACTTTCCCGGTTCCGTTGCTACCGCGGGCTTTACGCAATCAATCGGA
TCATATAGATATCCCTTCAACACAACATAGGTCATCGAAAGGATCTCGGAGACCCACCAAAGCACGAAAGCCA
GAATCTTTAGAAAATGGATTCTTATCGAAGAGTGCATAACCGCATGGATAAGCTCACACTAACCCGTCAATT
TTTTCGGGGCCGGTGTGGCACCC

>trans_s_5732 XM_001783075|*Physcomitrella patens* subsp. *patens* ERL1a AtERECTA-like receptor
S/T protein kinase protein (ERL1a) mRNA, partial cds

CCCAATATATCTACAAAGTTGTTGAGAGCAAGAAATGTAATGAAGCAAACGCACTCTGTCCCAGAACTGATAT
TAATCAACTCAATGTTTTGTGGCAATTTCTTCGTTTGCGAAATGAAATCGATTCTCCGACTAACTCGCCGAAGC
AGTTCCTCTTGAAATTACCAGTAATAACCGTGACCCAACCGAATGGCCCATAACCATCTTAGGAAACGTCTGCT
GAATTTATGCGCTGTTTTTACC

>trans_s_5733 Novel Gene

AGAGCCTTTTACCCTTTCATCGGTTGTGATGATGATGATGAAGAAGAAGAAAGATAAGAAGATAAATCGGTC
AAATCTTGTAATGAGACTGCGAAGTTAAAATTCTTTTTCCCAATTGAGAACAGGCTATTATTGTTAAACA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAACAAAAAACAAAAAACAAAAAACAAAAAACAAAAAACAAAAAACAAAAAACAAAAAACAAAAAAC

>trans_s_5734 XM_002877905|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* universal stress protein family
protein, mRNA

AGAGCCTGAAGTTCTAAAGAAATACGATGTCAAAATCGACAGATCGGCCCTCGATATTCTCGACACTGGAGCT
AGACAGAAAGAGATTACGGTTGTGTCTGAAGCTGTACTGGGGAGATGCGAGGGAGAAGATCGTTGATGCAAT
CGAAGATCTGAAGCTGGATTCTCTTGTAATGGGAAGCAGAGGATTAAGCACCATTCGAAGGTTTGTCTCTTT
TTCCTATTCTGAGAACTCGTCCGATT

>trans_s_5735 AB517652|*Dianthus caryophyllus* DcLTP1 gene for lipid transfer protein, complete cds

TATAATAGTGAGGCAGTAGATGCATGCGGTGGAGGATGATTATGATTACCATTTATTTAGTTCACCCTGCTGC
AGTCGGTGTGGGGCTGATCGGGTAAGAAATACTGACACCACACTTGCCGGGAAGGCCAGCGGCAGCTTTAT
AGTTGGGGGGGCTTGACCATTCGGCTACCGAAGACGCTTTAGTCCACTCAGCCATCTCTCCCCTCCTCCTCT
CTCTCCAAACGCCTTTCGTGCGGG

>trans_s_5736 EU513352|*Olea europaea* lipoxygenase 2 (lox2) mRNA, complete cds

CCCAACCCGACAACAAATAATTGCAAATGCTGGTGTCAAATTTTACCAGTATCGGAAGGGGCACGTCCGGTGC
GACATCTTCTAGGATATGGAATTTCTCTCCACCAAGCCTTGGGCGAGCGTATTCTATTCTTTGTCTGGATTC
CCAAATCGTTGTACACATCAAAGTCATATACTCGATCAGACAGTTTCCTTCTCCTTCCCATCACCTCTAATGTC
TTTAAGCTCAATCTCTCTT

>trans_s_5737 DQ125945|*Populus tremula* x *Populus alba* glutamate decarboxylase mRNA, complete cds

GGATACCAAAACGTGATGGAAAACCTGCAGAGAAAACATGATTGTCCTAAAGGAAGGACTCGAGAGAACAGG
GCGGTTCAACATCGTGTCTGAAGGACAATGGAGTTCCACTTGTGGCCTTCTCCTTGAAAGACAACACACGCCAT
ACGGAGTTTGAGGTATCAGAAATGCTGAGGAGATTGCGGTGGATTGTACCAGCTTACACCATGCCTCCGGAT
GCACAACACACGGGCACGGTGTCTCATCAT

>trans_s_5738 AY173932|*Cucumis sativus* ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

GCGGTTTCGCGGATACAACACATACAAAATTAACCAAATTTGCCTGATGTAGAGGCAATCAAGAAAGCCGCATA
AGTAAATATATAACCTACAGAAAAGTGGGCTAATCCAACTAATCTTGCTTGACAATGGAAAGAGCCACTGGT
TTATCTCTCCATCGAATCAAATGCTAACACTTACAATACCCGTGATATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCT
ACCAATCGCTCGGTGGGAATTCG

>trans_s_5739 EU018313|*Lophopyrum elongatum* alpha-gliadin (gli-A99) pseudogene, complete sequence

CCCTTGCGGAGGAACCCTTGTCTAAAAAATTAGGGTAAGAAAACCTGAATGGATAATATAACCTTAGAAACTA
CACCATACACATCATACAATCACCACACACATGATATGTGTCGTGAGTGACAGTTAACCTTTCAAACTCAAA
AAACTACAAACACATACCCCAAATTACACGAACAAACACACATAAAACAACCTTAACAAGAAAAACCAAACCT
CTAAAAAAAACCAACGATCTCTT

>trans_s_5740 NM_179487|*Arabidopsis thaliana* LOS1; copper ion binding / translation elongation factor/ translation factor, nucleic acid binding (LOS1) mRNA, complete cds

AACTACCAGGAGTGTGCAATGATACCGGCAGCAGCCACAAGAGAATCTGTGAGAGTGGACTTCCCATGATCG
ACGTGAGCAATAACAGACATATTACGAATGTTATGCTTATAGTCCATAATCCGACGGAGCTCTTCTGCTGTAAA

CTTACCATCTTGACAAGTCTTCAAAGACCGAGGACTATAAACTGGAGGGAGAGCAAAGGGAAGGCACTCC
CACTGAGGAGCGAAACAACGTGCG

>trans_s_5741 DQ108495|*Corchorus olitorius* SSR marker J-93-M13F genomic sequence

GGAACCGCTATAATCACCCTACGTGCGTTTCATTCTTCTCTCTCTTTCTTGCTTTTATGAAGTCGCAC
TGGGAGCTAGTGCTTGCTATCTAAGAATTTCTCCATGGATCTCATCGGAAATGTTTGATGCTTCTTGGGGCTTC
TTTGGCGACCGTGAAGTCACCGGATGAATTGCCGAGTAGATAGATCAGATCCGGACGCGGCTCTTGCGTAGC
GGCGCGCATTGAGATCAAAT

>trans_s_5742 Novel Gene

ACGAACACTTGGCTACATCCGCCCCCTACCCTATATATATATAAGCGAATATTATAAAATCCAAGAATTTCA
CTATCTTCTCTTTAAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGCTCCTTTACTTTCA
AGAACTCGTATACACTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGG
GAAGTTGTGAGCATTACGTT

>trans_s_5743 Novel Gene

TGGGCTGATATTATATTGGCACGATTAGAACCATACAGGACCGCGCATGAACGTAATGCTCACAACCTCCCTCT
AGACCTCTCTGCTGTTGAAGTTCATCTATCAATGTCGCCTCAGGAGTGAGGCTGTGCGCATCTGGAGGTCCCT
GCCCTTCTACATAACCAATTTCTTGTTTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTTTTCTGGGAACCAATCCCT
TGGGTGTAAGATTACGAT

>trans_s_5744 AC225786|*Oryza officinalis*, complete sequence

GGTTTCTGCCGGGTATTTAAGAATATTCGTCTATTAAGGAGGATCCCCAAATACCTAAAATAAAGATAATCA
TAGAAAATGTGAAATATTTGATAGGATCCATTTCGGGAACGTAGAATGTCAGAGAAATTCAAATGTTAAAGAT
CAAAATTGTCCATCAGTAATGGGGGTTCTGTCTTTAGCACTTTGATTTACCTTGAAGAACTTCCATCTTCTTT
TGGAAGGTAGAGAGACTCT

>trans_s_5745 AJ223494|*Brassica juncea* mRNA for myrosinase, partial

GAGCGCATCCAATTTGACCATTTTGATGTTTATTTAGACTTGTAAGTTTAACCGCCTTAGTATGTGCGAGA
ATTTGGTGATGACCAACAATATATGGTTCAAGTTCCAGGATCTCCACCGAGATAACGTAACGATTTCAAAAAAC
AGCCTCTACGTGGTAAAAGACCAATGTGGTTTGGTTTCTTAGTTCCAGTATCTCCATCAACACAATCAGCCTGT
TGCGAAGATCCTCTGCCTGG

>trans_s_5746 NM_001050084|*Oryza sativa* Japonica Group Os01g0611000 (Os01g0611000)
mRNA, partial cds

CGGACTGGGGAACCTCATTAGCGCAAACCCCTTTACAACAGCAATGGCTGGGACTTATACGCTTGGGCCTTCCA
AGCCGAGTCCGACGAGGTGCTTATTCTCATCCATAACCCTGGCGAAGAGGAAGATCCAGCTTGTGGCCCTCTC
ATTGACGCCATTGCCATTAAGACCCTCAACCCCTCTAAGGCCTCCAATGATAATCTGGTGAAAGGCAAAAGCC
CTAGGGACAATTTGGTGCAAAA

>trans_s_5747 GQ998790|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal
RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

AGTCCCTGCTTTCAGCCGGAATCACTAGGGACGGTGTCTCACTTCCCGGCACGCTCAACGGATAAAAGTTA
CTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTGGCACCTCGATGTCGGCTC
TTCGCCACCTGGGGCTGTAGTATGTTCCAAGGGTTGGGCTGTTCGCCCATATTTGCCATGCACTCGACCCAA
GTGAACGTCGTGAGACAGTTC

>trans_s_5748 AF377996|Cercidiphyllum japonicum PSI P700 apoprotein A1 (PsaA) and Ycf3 (Ycf3)
genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

TATTTAGCTAGTATTAGTTAGAAATTTGGATATTTTTATATTTGTTATAATTCTTTGTTGTCCGCATCAGGCAAAT
CAAAGGGATAATTTCTCAGTGAAGAACCAATCAAGGAATTCATTATATCCCTTCTAATCTAAGATCCTTCAATT
TTTTTTGGTATTTTGTAGGGGTAAACGATACAGAGATACATTAGAATTAGAGAATGTATTTTATATATTTTATAG
ATGGGAATACAAAACC

>trans_s_5749 AY925150|Angelica dahurica 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTCGTATTTCAAAGGGGAACGGAACCAGGTGGCT
TTGTTTCGTCATTAGCCTTTTCTATCTCCACCTCTACCATCATCTCTCTTTCATTCAATTCATACATCTAATCGCA
CACACATCACTATCTGTAAAGGCTTTTGATGAATGAACACCATTGCTTTGTACCGTGTATGATTCTATCAAAGC
TATGAGATCTGAGGGCTA

>trans_s_5750 DQ004553|Cannabis sativa voucher CPRO 891199 cytochrome oxidase subunit II
(cox2) gene, partial cds

CAGTGACCCCTGTCTGTCTCAGTGGACGCGGAAGTGTATAGTCAGAATACTCATAAGTCCAATACCATTGATGTC
CAATAGCTTTGATAGTCATGGCTGGATCTACTACTACCTCGTCCATTGAGTATAAGAGAGCAAAGGATGGTAT
AGCAATGAACATCAGAATGATACTAGGAAAAATGGTCCAAAGAATCTCGATAGTAGTTCCATGAACAATCCTT
TGCGGTATCCCAGGGGGGAGC

>trans_s_5751 GQ998854|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ribosomal protein S12 (rps12) gene, complete cds; chloroplast

AGCAGTGATTCAAATCCCGAGGTTAAGCGTACTCTGGCAACTTTACGTAAGGCAGAGTTTGGTTTTTTGGGG
GTGATAGTATACACCTAGTACATGTTCTCGACGCTGAGGGCATCCCCGAAGGGCGGGCGATTGGTGACAT
TTCTGATTGGCTGTCTTGTGTTTCTAATTTACACCATTAAACATGGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCT
CAGCTGCATACATCACTGC

>trans_s_5752 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

CCAACGACCTAATACTACGCAGGCTCATCAAACAGCGCTTTTCTAGCTTTCTTCAGGGCCCAATTTATTGACAAG
CGCAGATTCCACGCGTTACGCACCCGTTCCCCACTTTGTTCTCAACTCTTCCACCTTGAAAGGCGAGACAA
AGCGTTGAGCCTCTTTCTTCTGCCTAGCTCCCCGAAAACAACGTTGACTTGCATGTGTTAAGCATATAGCT
AGCGTTCCTTCTGAGCCA

>trans_s_5753 GQ859160|Nicotiana tabacum MYC2a transcription factor mRNA, complete cds

AAACCATTACGATATGGAGATTGAAGTTAAAATCATGGGTTGGGATGCGATGATCAGAATCAAAGCAACAA
GAAGAATCATCCGGCGGCTAGGTTGATGACGGCGTTAAGGATTTGGATTTAGAAATGCTTCACGCCAGTGTT
TCTGTAGTGAATGATTGATGATTCAACAAGCAACAGTGAAGATGGGGAGCAGATTTTACACACAAGAGCAG
CTTAGGGCAGCTCTCCAACCCG

>trans_s_5754 EU555286|*Solanum lycopersicum* protein kinase 1b (TPK1b) mRNA, complete cds

ATGTTATCTGGAGGAAGAGCCGTAGACAAAAATCGACCATTTAGAGAACACAACCTAATCGAATGGGCCAGACCCCAACTTGCAAACAAAAGGAAGACTGCTCGAATAATTGACAACCGTCTTGAAGGCCAATATTCTTTGGATGCAGCCTATAAGCTATCGAGTCTGACACTGCAATGCCTATCCATTGAGCCCAAGTCTAGACCAAGCATGAACGAGGTTGTAACAGAACTAGAACAG

>trans_s_5755 FJ422371|*Rosa majalis* external transcribed spacer and 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGGGCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTGGTGGCATGATAAGTCCCTCGAAACGTGTGCGCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTTTACGTACGTATTGGAAAAGCGAAAACAGTCTTGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAGCCATCGTACACATTCAT

>trans_s_5756 AP009372|*Crucihimalaya wallichii* chloroplast DNA, complete sequence

AGGGTAAGACAATATATTTTCTAATAATTGATTGAGTTATTAACAAAGAACCTCTTATTACTTGAGCAAATCGAATGCTATCCCAGAGTTCTCTATTTCTATACGTCTTTCTTCTAAGGTGCTTTCAACAACCTTTCTACTTTTTTGCAATAAAAGCGAAGAGCCCATTAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGTAGCGAAATGCGATA

>trans_s_5757 DQ501256|*Indofevillea khasiana* ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

TGCAGCACATTCGCGCCTCCTTGAAAAAATGTGGGGTGGGGTAATGCACCTGGTGCCGTAGCTAACCGAGTAGCTCTAGAAGCATGTGTACAAGCTCGTAGCAGAAAGTACAGCTCCATCTACAGAAACGGCAGGGCCGCTTACAGAATCGACGGGCAAGACTTCAGGTCGATCATCATCCACAGGACGCAAGGAAGAGCTGGGCCCGACTTCTGTCCTTTCGTGTAAACCCGACATT

>trans_s_5758 AF036339|*Euphorbia esula* glycine-rich RNA-binding protein (GRRBP1) gene, complete cds

TCTCTTCTCACAACCTCATGGCAACGAAACACCCACCCCTTGCTTGGGCCACTGATAGTAATGCCTTAGAGAAGGCTTTCTCTCCATTTGGTGATATCGTTGAAGCCAAGGTCCGTTTGACGTCTCTCGAGTTCGGGTGGAATCCGATTAGGGAGCACGAAGGCCGAGTCGAGAGACTAGACACTGACAAAACACAATGAAATGATGATGATGATGATGAAGAACTATAGGTGGTGAAATA

>trans_s_5759 AB189069|*Silene latifolia* chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF, atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

ACCAGACACGAGATAGATCTTCCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTTGGGACCCTGCAGATCCACTCTTTTCTATTCAAAGATCATCCTTTGTCTCTGTGTTTTACATCGAGAATTCTTTGGAGATGAAGATGTCAAAGTGGCTGCTTCCTTCCCCCGCGCGGTTGAGCGCGAGAGCACGCCCAAAGGTGGGCGACCTCATACGCAAGAAAAGTACTTC

>trans_s_5760 AY219234|*Nicotiana tabacum* arm repeat-containing protein mRNA, complete cds

CTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTTTTCCAATGACGAAACACTCCCACAATTGATAGGAAGTGCCGTATGACAC
TCCAAAAAGCAGCGAGAAGCCATCGAATTAGAATGTTGTTCCCATCCGCCAGTCAGCCTTATCATTAGCCTACC
CTCGTGTCAAGATAGCCCAACCCGAAAAAGCCCCCTCAACTAAAGGCTTCTGCTCAACCTTGCAGCCCCCTCTCC
CACTAACTGTCACTGACT

>trans_s_5761 DQ490924|Lindera sp. Zhou 200491 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGTAATCTTTTGAATTTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCACATCTTCCGGAAGCT
GCCTCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAAAGCA
GCTATTGGCCTAGCTATTCTTTCTGTCATTTATCGTAACAGAAAAATCCACTCGTATCAATCAATCGAATTTGTTG
AGCGGACGTATCCCGAG

>trans_s_5762 XM_002863251|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase ND6, mRNA

TTCATTATCACAACAAATAACCTTAATATTTATCAACATATTTTTTTCTTCATTTGAACTCATTTTCGATCATTCTT
TTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCTCATTATTTAGAAATCAATCTTTATCGTATTAAATTTG
AAACAACATACAATAGAGACAGTCCTCTCGACGCGACCCAGGTCAGGCGGGACTACCCGCTGAGTTTAAGC
ATATCATATTGCGG

>trans_s_5763 GU065695|Populus trichocarpa gamma class glutathione transferase EF1Bgamma3
mRNA, complete cds

ACTTCATCCGATATATCAACCTGCCTCCATTCATAAAGTTCCATGTCATAGCACTCGTCCAAGATGAATTTCCGGG
ATCTCTTGTCCACGGAAAAAGCCATAAGCCCTTACCTTAAATGGAGGTTCTGATCCAATCACTAACATCTTCCC
AAAAGCATACTTACGAGCGAGATCCATCCGCTGGAGAAAGCCACCAACCTTGTTCAACGTCACGAATGAAACA
ATGTTCTCATCGTTGT

>trans_s_5764 EU812563|Hordeum vulgare subsp. vulgare Rpg4 gene, complete sequence; RGA1
(RGA1) gene, complete cds; Rpg5 gene, complete sequence; PP2C (PP2C) gene, complete cds; and
ADF3 gene, complete sequence

GGACTGAGACACGAGGTCCACGAAAAAAGCCGTCCCTCTTCCTATGGTTCGAGCTACTTCCGTCCCTCATCTG
GAGCTTTTTCTTTCTCCATATTCACCTGTGTCCTTATTCAATGAGCTTCGATTATTCTTTGACTTTATTCATTGATT
CAGTCGAGAGGAGAATGCCTAATTTTTTTCATATGGATTTTCGATCATTCTTTGATAAGGAATTCGTTTCGCCGAC
TCTCGGAAGCCAGG

>trans_s_5765 AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

ACACCGGAGATACCCAAAAGAATATAATTTGGATATGCTATTTTGGGGTCAATCTATTAGGGATAGGGCTACA
TAGTTATGGTTTCATTTACATTAACATCTAATTGAATTCATTCAAGAAAGGCCTGACGAACACAAACATGGAG
GGGTATAGATAAGAAAATTGTGTGTAAGACATCGAGAACCCTTTGAATCACTACATTACTTGATTCAAAGGAA
CTCGGCAAAATAGCCCCGT

>trans_s_5766 GQ998854|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ribosomal protein S12 (rps12) gene, complete cds; chloroplast

AGCAGTGATTTCAAATCCCGAGGTAAAGCGTACTCTGGCAACTTTACGTAAGGCAGAGTTTGGTTTTTTGGGG
GTGATAGTATACACCCTAGTACATGTTCCCTCGACGCTGAGGGCATCCCCGAAGGGCGGGCGATTGTTGGTGACAT

TTCTGATTGGCTGTCTTGTGTTTCTAATAAGTTGTTTAATAGTTGGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCT
CAGCTGCATACATCACT

>trans_s_5767 Z14078|T.aestivum mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

GTCAAGAGTGCGACCTTACTCCCCAGGCGGAGTGTTTCACGCGTTAGCTGGGCCCCTGATCCGCCTAGACCAA
GGGCGAACACTCATCGTTTACGGCGTGACTACCAGGGTATCTAATCCTGTTTCGCTCCCCACGCTTTCGCTCCT
CAGCGTCAGTTACAGACCAGAGAGTCGCCTTCGCCACTGGTGTTCCCTCCACATCTCTACGCATTTACCGCTAC
ACGTGGAATTCTACTCT

>trans_s_5768 Z97716|Medicago muricoleptis DNA for ETS

TCTCCCAGGCGCCGCGATGCTAGTAGACGTTGGCGGGGTGCCGCGCCAGCTGGCATGATAAGTCCCTCGAAA
CGTGTTGCCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCGTATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGC
ATGCATGCGGGAGGAAAAAGGAAAGTCTCTCCGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTC
AAAGATTAAGCCATCGTAC

>trans_s_5769 D50085|Cucumis sativus mRNA for NADPH-protochlorophyllide oxidoreductase,
complete cds

AGGTGTAAGAGAGAATTGAACCAGCAGATTGGTGCAATAAGGGCTCAGACAACTGCTACCGAAAGTCCAGCA
GTTAACAAAGCTGCTCCAGATGGGAAGAAAAGTCTAAGAAAGGGTAGTGTTGTGATCACTGGAGCCTCTTCT
GGGTTGGGATTAGCCACAGCCAAGGCTTTGGCCGAAAGTGGACCCGTTACGTGACGGCGTTAGGTGCTCTCA
GGGAGACCTTAGGAAAGAGAGT

>trans_s_5770 NM_001186350|Oryza sativa Japonica Group Os03g0165266 (Os03g0165266)
mRNA, complete cds

AAGAGACTGTACAATATCCAGTGGAACATCCTGAGAAAGTTCGAGAAATTTGGAATGTCACCCCTCAAAGGGAG
TTCTTTTCTATGGCCCTCTGGATGTGGAAAACTCTTCTGGCCAAAGCTATTGCAAATGAGTGCCAGGCAAAC
TTCATCAGTGTAAGGGTCCTGAATTGCTTACAATGTGGTTTGGAGAAAGTGAAGCCAATGTTTCGTGAATAAA
AACACAAGCGAGCCCAGTC

>trans_s_5771 GQ504457|Ficus insipida isolate Fsp040 ATP synthase CF1 alpha subunit (atpA)
gene, partial cds; and ATP synthase CF0 subunit I-like (atpF) gene, partial sequence; chloroplast

GGGTATAGGGGCGAAAGACTAATCGAACCGTCTAGTAGCTGGTTCCTCCGAAGTTTCCCTCAGGATAGCTGA
GAGGAGAAAACAAGCCTTACAAGGAGCTCTAGGAAGTCTGAATAGTTGTTTGGACAACGAGTTACACCCGTA
CGTTGCTGACATCAATATTGGCATGTTTGGGACGATGAAAGAAATAACTAACTGATTAGTCCTTCTACTGTAG
GCATTATTTTTTTTTCTTT

>trans_s_5772 AB494650|Colocasia esculenta chloroplast rpoC2, rps2 genes for RNA polymerase
subunit beta", 30S ribosomal protein S2, partial cds, specimen_voucher: TI:Ohi-Toma Col01

ATGCCATTCTATTGCGCCATTTTCTAGTACCATGACCAAAATGAACTCCTGCCTCCATCATCTCTCCCAAATGGA
TGTTCCAATATCTTCTTGTCATTTCTCCCCCACTTCTCGCTTTTTTTCTTAAAAAAGAGACGAGCTGAAATA
GAAATAAATAATTGTTCCCATGGAACCTTATCCTCTACCTCGACCGGGGATTGACTGTTGATACACAATCCAAG
CCATTAATTTTT

>trans_s_5773 NM_001069270|Oryza sativa Japonica Group Os09g0271000 (Os09g0271000)
mRNA, complete cds

GGAGAAGAAGAAGAAGGAGAAGAAGAAGAAGGGTGAGCACGGCCACGAACACCACGGCGGAGATAGCAG
CAGCGATAGCGATAGCGATTGATGGATCAGATCAGCTCGGAATCATTAGCCGGAGAACGAGCCACACCTTAG
CTATACACACCACACACCCAGTATAATAATCTCATGACTCCCTTTTGGTTTAATCCCTCTGTTTCCGATCTACGTT
TTTTGGGGGGGCCACGGAGC

>trans_s_5774 Novel Gene

AAAGTGGATTTGTTGTGCGAAGAGTGC GTTATGACCCGTGGCCGCCTGCCTGGTGGGGGCGGCTCCTCCGTT
GTGGGTAAACGGGAAACCCGACTCTACGAACCCGAGGAAAGGCTGCACAGCAGTAGTCAGGGCGTTCAGAC
CGGAGCTTTTTGTAGTGCTAGCAGTAATGCAAGTGAATGAATCCCATCCCCTATCAAGTTCAGTGCTTACGCC
CTTTAGAGATAGTTAGAATA

>trans_s_5775 AB112528|Humulus lupulus chloroplast DNA, downstream region of trnC, North
American wild, haplotype:NA3

AGAAGAAAAGCATCTTTAGATTTGCTTGATTCTAAGCATCGTTGGGGTTCTCTAAAATGTTATAAATCCTTGCG
TATAGGTTTCGTTTCCAGAATTTAGTAGAGTAATGAAAATAATCGTTAAATCTTGAGATGATAGCCCTTCGAC
TACTAATGTAGTGTCTACTCATTGGGTCTTGAATTAGGGAATATAATTTCAATTTTCCTTACGGAATCCTCGAAG
ATACTTATATAATT

>trans_s_5776 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

AACTTTATAAACTTCATAAACCGTTTTTTAATTCTTTAGAAAAATAAAATTCTATTTCCGTTTTGGATATTTAAAT
TTGTTATTAAGTATCCTTTTGAAGAGATAAGAGCTGGTGAATCAGAAAAATTAATTAGGAATTTAATATAC
TTTTTTATGGAATATACATATCAATATTCATGGATCATACCGTTCATCTCACTTCCAATTCCTATCTTAATAGGAG
TGGGCTCCGGA

>trans_s_5777 XM_001701505|Chlamydomonas reinhardtii alanine-glyoxylate transaminase
(AGT1) mRNA, complete cds

GTTGATGCTCGGATGGGCCCATATGGACAATGCTTGACCTCGGTGTGGGCGTGCACTCCAAGCGGGCTTGTT
CGTGAAGATACGAGATGTCTTGATTGCTTCTTGCTTGGTGAAGGGTTTGGTCAAATCGATGGAATGCCG
GGCCCCACGTCGGGCAAGGAGTGAGAGCGGGATGTCAAATTGACATTCTTGGATGGGTTTTGCTTGGACAA
TGCTTGACCTCGTGTGTT

>trans_s_5778 EU253616|Alectra aurantiaca voucher Morawetz 158 (OS) internal transcribed
spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed
spacer 2, partial sequence

TCACGCAAGATGATTATCAGTCTTAGGAGTGAAGTGGAGGGATCTTGTTCAAAGTACTACGAAAGCGAGAGA
GAGACTACGGGGTCAGGGTAACTTCAACCTTTCCGGGCTGGGGCAGGCCTACCTCCTTTTAGCACGATTCAA
GGAATCACCTTGCTCTGAATCATCGGATTTTCTTCTCTCTCCGAATAATCGGATTGAGCCGTGAAGCTTATCT
AACCCCTGGATTAGCGG

>trans_s_5779 NM_127242|Arabidopsis thaliana UDP-glucuronosyl/UDP-glucosyl transferase family protein (AT2G16890) mRNA, complete cds

ACCCCCACCTTTTCCTTACCAGTATAAACCTCAATCCTCCTCTATACCCAGTTCTTTGTTTTGGGATTTTAGGGT
TTTTTGGTTCATTTTATATCATCTCTGTCACTTTTCGCTTTGCTTTAATACCCTTGTTTGAGATCTACTACT
ATGGCTACTGTTGCTTCACCTCCTTCTACAGATCAAGCTGCAGATTGCTTCAGAAAGTTGTCATTGCTACCTCAC
CCTTAA

>trans_s_5780 EU580727|Citrullus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA,
complete cds

GAACTGTCTTAGTTTCTAATACGTCTCTAACTTTGCCACAGACGTGGATGTATTTGGCGGTACCGGTATTACT
TTACGGTTGTGAGAGATTGATAAGAGCATTAGATCAGGGATCAAACCAGTGAAGATTCTAAGGTGGCTGTT
TATCCTGGAAACGTTCTGGCATTGCACATGTCTAAGCCACATGGGTTCAAGTACAAGAGTGGGCAATACATT
CAAAATTAATAATTAT

>trans_s_5781 AJ251652|Medicago truncatula mRNA for aquaporin (aqp1 gene)

ACGTAGGAGGGTGATGTTACCGCCAACGAAGGCACCAAAGGTAACGGCGGGGTTAACATGGCCACCAGAGA
TGTTAGCGCCAACGGAGACGGCAACGAAAAGAGCAAAGGCATGGGCGATGGAGGCGGAGATGAGACCGGC
TGGAGTGGCAGCGCCGTCATTGGTGAGCTTACTAAAGGCTATGCCGGAACCTTGCCAGCAAAAACAAAAAT
CAAGGTGGAAATAAACTCGGCCA

>trans_s_5782 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

CCCGGTCCCTTTTATGGCGGATATTGGCGCACAGACTCCCTTCTTCTATATTTTCAGAGAACGAGAATTAGTAT
ATGATCTATTGGAAGCAGCCACCGGTATGAGAATGATGCATAATTTTTTCGTATCGGGGGAGTCGCGGCTGA
TCTACCTTATGGATGGATAGATAAATGTTTGGATTTCTGCGATTATTTTTTGACAGCGGTTGCTGAATATCAAG
CAATGACCTTACAAT

>trans_s_5783 NM_001053952|Oryza sativa Japonica Group Os02g0613000 (Os02g0613000)
mRNA, complete cds

CGACCCAAACGACAGGGACCAGGTCTTCTTTCACTCGCCCTGTTGCCACCGCTGGCACTGGGTGCCCTGAAAG
CCTGAAAAGCTGGATTCTGGTATGCTGAGAAGTGTGACGAAAAAGATGTACTCTGCAAAGAGATGAGGC
CATCATTGTTGGTGTGAAAAGCATGAAAACTTGAAGGAGCACAAACATAGTTCTCCAGAAATTCTTCTTTCT
CCTCTTAGAAAGCCTTC

>trans_s_5784 EU249995|Manihot esculenta ubiquitin precursor-like mRNA, complete sequence

AAGTCGCTGTTTCTAAGGTGGAGTCCTCCGATACCATTGATAACGTCAAGGCCAAGATCCAGGATAAGGAAG
GTATTCCCCCAGACCAGCAAAGACTTATCTTCGCCGAAAGCAGTTGGAGGATGGACGAACTCTTGCTGATTA
CAACATCCAGAAGGAATCTACTCTTCATCTTGTCTCCGACTCCGTGGTGGTATGCATACCCCCACTGGGGTCT
CACAATTCCTGTTGCA

>trans_s_5785 AM489968|Syzygium maire plastid external transcribed spacer, ETS, specimen
voucher Belsham M84 (OTA)

TCTCCAGGCGCCGCGATGCTAGTAGACGTTGGCGGGGTGCCGCGCCAGCTGGCATGATAAGTCCCTCGAAA
CGTGTTGCCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGTATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGC
ATGCATGCGAAGAAAAAGGAAAGTGCTCTTGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAA
AGATTAAGCCATCGTAC

>trans_s_5786 NM_120068|Arabidopsis thaliana VHA-A3 (VACUOLAR PROTON ATPASE A3); ATPase
(VHA-A3) mRNA, complete cds

CGGTTAATTTGGGATTTCTCTCTGGTCTTGTTCTCGGGAAAAATCTATGGCATTGAGAGGATACTTTTTCGT
GCTACTAGGGGCAATGTGTTTCTGAAGCAGACTGAAGTTGAGGATCCTGTTGCAGATCCTGTTTCTGGAGAGA
AGGTTGAGAAAAATGTGTTTATTGTTTCTACTCTGGAGAAAGAGCAAAGAATAAAATTCTAAAAATATGTGA
GGTGCCCAAACGTTTA

>trans_s_5787 EU678898|Eulophia andamanensis 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACGAGTCGCGCTAAGGTTAATCACTTAAATTTGCCGAGGGAGGGCCCTGCTACAGCAAAAGCGAGCTGCCAT
GGCCACCAACTCCTGGTAGAAGGCCTTCGATAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTT
TGACACACCGCCCGTCGCTCCTACCGATGTCCGTTGAATTGTCCTGTGGATTGATTAATTAAGTCTGACACT
TTGACGCTTACCGAGTA

>trans_s_5788 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

GTCCTAAAGAGGAGTAGCAAATATTCAAATGAGAACTTTGAAGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTCCATGTGAAC
GGCACTTTACACGAAAGTTACAATCCCTACCGCGTAATAGTGACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTA
ACCGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGGCTCTCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCAC
GTACAACGTGGTTGTT

>trans_s_5789 FJ422345|Alchemilla mollis external transcribed spacer and 18S ribosomal RNA
gene, partial sequence

GGCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTCGGTGGCATGATAAGTCCCTCGAAACGTGTTG
CCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGTATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGCATGCATG
CGGGCTGGGGCGGGGACATCTCCGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAA
GCCATCGTACTGTAA

>trans_s_5790 EU850652|Taxandria parviceps voucher AK289150 external transcribed spacer and
18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGCCCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTCGGTGGCATGATAAGTCCCTCGAAACGTGT
TGCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGTATTGCTCCAATGCCACCAATACCAATGCATG
CATAAATCAAAGCGGGGTGTCTCTTGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAA
AGCCATCGTACTGT

>trans_s_5791 GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

CCGGGTATGTGCTCAGCGGAGAAAGAGAAAGGTGTGTGATTCCGAAAGAGAATCATAACTTCAAGCAAGCTG
GAGATAGATACCGATCATGGGCACCAGACAGACAAGAACGATTTCGTGAGGCGGTTTGTGGAAGCGTTATCG

GACCCCCGTGTCACACACGAAGTTCGCAACATATGGATCTCATATTGGAGTCAGGCTGACAGGTCATTGGGCC
AAATTTATCGTAGAGCATA

>trans_s_5792 EU580727|Citrullus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA,
complete cds

TTTCCGACGACAGCTTCGATTCCAGGCTACAACTTTCTTTGACATGGTCGATACGGATGCAGATGGAAGAAT
CACAGAAGAAGAAGTCGAAGAGATTATTAGTATGAGTGCTTCAGCTAACCAACTTTCCACAATTCAAAAACAA
GCAAAAAGAATACGCCGCCTTAATCATGGAAGAACTCGACCCTGGAAATGCTGGGTACATCATGATACAAAATC
TGGAAGCTCTGTTACT

>trans_s_5793 XM_003083488|Ostreococcus tauri HEAT repeat-containing protein (ISS)
(Ot16g00860) mRNA, complete cds

ACGGGGCTTTGTTTCTTTGAGAACGATGTCTAGGATTGAGGCTTCTTCTATCTATTGATGATTATTCGGGAGTT
TAGACTCTGGTTCTTTTCAACCAGCATTCTGTTTTGAGTTGGGCGCCTTCTCGGGAGGGATTTCACTCTTCCT
TGGCCATTTCACTCTTTGGCTGCAACACGTCCTCCTTTTCTTTCATTTTAATGTCACGGACTGGAAGTGACTT
GACCTGGTGAG

>trans_s_5794 FN421405|Potentilla anserina partial external transcribed spacer and partial 18S
rRNA gene, specimen voucher S:Eriksson T. TE#153

GGCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTCGGTGGCATGATAAGTCCCTCGAAACGTGTTG
CCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGCATGCATG
CGGGCCACCCCGGGGACTAGAGGGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAA
GCCATCGTACTGTAA

>trans_s_5795 FN397617|Raphanus sativus Rfo genomic region from maintainer genotype

AAGGGGTGCCTCCTCACTTTATTCTTTTTCGACCCTATTCGGTAATTACTTGTACCGCATTACTAGTCATAGTA
TGGATATTATATTGTCAGGAAGACTATTTACCTCTTCTTTATTTCTTTGTTTTTACAATACAAATAGGAGCGG
TATTATTATGATTATTATGTCACTGGTGCCAGATTGAAATGTCATTGAATGTGTCTATTTTGAAGGTTGTTGGTT
TACCATCTGT

>trans_s_5796 AY968420|Schizopepon bryoniifolius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAGGGGGGTGCGTCGGTTTTATTTGATAAAATGTATCAGGGAGGGATTTTACCATAAATCCATTGATTCTATA
TTACTTCTTACTTTTTTAATACTTTAGCATGCATGGGATTGCGGGGTAGTCTTTTTTACTTCACAAAAAGGGGT
ATACTGGATCATAATGCCACAAATGTCCGGCAACACTCAATCCGCATCGGTCCATGCCCCAAGTCGATTGGCG
GACCGGCTCATCTG

>trans_s_5797 AF487258|Stephanandra tanakae isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE)
genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

AAAGATTGACTTCCCCCTGGGGGTAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGA
ATTGATTCTTGGGGGGTCGATGCCCCGAGCGGTCGGCAGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTAC
GCTGGTTCAAAGAAAGCGACCTCCACTACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTTTACACAGAGACGTCTTCACTT
ACCTAGTGGTACGATAGG

>trans_s_5798 GQ470539|Ancistrocladus robertsoniorum trnK gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

AAATCTGCAATTTTGATATAATCACGAACTACGCGGAGGAGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATTTTTTCT
AAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATAAAG
AGTTTTTTTCCAAAATCAAAGAGCGATTGGGTTGAAAAAGGGGAAATTTCTAACCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAACCCCCAGA

>trans_s_5799 X70783|C.nucifera organelle 16S rRNA gene

TCAAAACCCCAACAGACCATTGGGGCAACTAAACACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCAACACCT
TACGACACGAGCTGACGACAGCCATGCAGCACCTGTCTCAGAGTTCCCGAAGGCACCAAAGCATCTCTGCTAA
GTTCTCTGGATGTCAAGAGTAGGTAAGGTTCTTCGCGTTGCATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGTGC
GGGCCCCCGTCAAT

>trans_s_5800 AF011557|Lycopersicon esculentum jasmonic acid 3 (LEJA3) mRNA, partial cds

CTCAGAAAACATCATCGACAGTCTCAGCCGAATCAAACACAGAGCTTCTTCACCAACAGGGAATTGAATTTCTCA
GAATTAGGATTTGAGAATGGTCGTTTGAAGGATAGGAATTCCACTTCGTTGAACCCGGAATCCGGTGAGATTC
TGAATTTTGGCGAGAGTACGAGACCTACTTCTATCCACCCCCGCTCACCATTACCTCCGGGCAACTCCTCA
TTTGCCCGGGAT

>trans_s_5801 AB194606|Pisum sativum PsIPT1 gene for adenylate isopentenyltransferase, complete cds

ATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTCACAAGAATCTCATCCTGAACCTTCTGCCACTGTAGATATAATTGTTTCAA
ATGGTCTTGAGAGATGGGAGAGAAAAATATATGAGAAAAATATACCAGATTAGCTTGGCGGTCTCCTCTCAG
CATTCCCCAGTTACTTTGAACCTGTTGTGTTCTATTTGTCACCATGAGGAACTATACTAATTCACATCTCACT
ATATAAACCTAA

>trans_s_5802 NM_001056811|Oryza sativa Japonica Group Os03g0390600 (Os03g0390600) mRNA, complete cds

CTTCTTTGACGAAGAGAAGGGATCTGGTCGAGAGAGAAGAACCGCCGAAGCGACATCAGATGGCTCGTACCA
AGCAAACTGCCCCGTAAATCCACTGGAGGGAAGGCTCCAAGGAAACAGTTGGCTACCCCTTACAACAACCCAC
AAATTTTGTTGTGAAGAAGACAGGAGGATTGTGTGAGCGTTCGGGAAGAGTTATCTTTTCTGTTTAACAGCC
TGCCACCCCTGGAAAC

>trans_s_5803 XM_003078172|Ostreococcus tauri RNA polymerase II transcription elongation factor DSIF/SUPT5H/SPT5 (ISS) (Ot03g03090) mRNA, complete cds

AGAAAATATGAAATGGGTTACTAGTTTTTGAATCAAGGTATTTTCTCTGATGTATGGGTGTTTTCTCTCTCCG
AGACCAAGGGCTTCCCAAGAGGCACGGGCCTTGTAATCTTGGTCTGCTTAACGAACGCTCAATGTTTTGAT
GTCCATAACCTGTTTGTGGAATTAGCTACCCTGTGGATGACAACGCGTTCCTCAGAGCATCTGGGATTCT
TTATGAGAAAGA

>trans_s_5804 DQ131178|Populus deltoides lipoxygenase LOX1 (LOX1) mRNA, complete cds

AGAGGATACGGAACGTGATGAGATTATCTACGAAGCAGATTTTGAAATTCCTCCAGATTTTGGTTCAATTGGA
GCCATTTTCGTTGAGAATGAACATCACAAAGAGATTTTCTCAAGGATGTTGTCATCGAAGGCCTCCCTTCTGG
CCCTCTAAACTTCGTCTGCTCTTCTTGGGTTAATGAGAAGGATCATCCCGACAGCAAGAGAATCTTCCAATGTG
TCCGAGCTTGCC

>trans_s_5805 AB277195|Ipomoea nil PnF20-11 mRNA, similar to eukaryotic initiation factor eIF-4
gamma sequence

CAGCTTAGAGAGGTTGCAACAGTTCCCGAAGATATCTTGAAAGTCAAACCTAGAAGTTGAGTCTGAGATAGGT
GGGGAGGATCAAACATGGAACCGTGCTGAAAGCAATCCGCAACCACAATCTCAAAGCCGTTACTTTGAGCCA
GACAGTCGAGATTGGCGTGGTCGATCAGGGCAGGTTCCGGGATCCACGGAGGAAGGACCTTGGGATGCAGC
GCCTTCGGACAGAGTCAC

>trans_s_5806 AF530460|Striga hermonthica asparagine synthetase (AS) mRNA, complete cds

ACTGCATGCCACGCTTGGACCTCCTCGGACAGTTGATCTAGCAGCATTCTTTGGGAAGAATTTCTCAAATATTG
TTCGGTGGTAATATGCTTCTTTAGTGGTAGGAGTATTTCTGGGTAGATAAAGTTAGCATTACCAACATGGA
ATCAGTCACTTGTCTCTGCGTGATCCTTCAAACCGTCAATCCAACGTATCCAACACCGTCACTGAATTGTTC
TTTTGCCTGT

>trans_s_5807 FJ461342|Populus tomentosa vacuolar processing enzyme a (VPEa) mRNA,
complete cds

TCAATATAGTTGGATTGAACATAGATTGTGATATAACAATGGTGGGAGAAACGTACTTCCAAATCGGATGAG
TGGCTTGGCTTTTCATCATCATGCAGTGAAGCCCTTGTGTAGAGAGCTCCAAGGGCCCGAGGGACGCTCACG
CAAGCTTGCGCCGATGCCTCCGCCATCTGCTCCTTGCTGATCCCAGCATTGCATATGTTTGCAAAGGATCTCAT
GTGTTTCATTCCGT

>trans_s_5808 DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K
(matK) gene, partial cds; chloroplast

TGCATTGGTTAGAAGAGTATATGCTAATAACTTCTTATAGGGGCTTTTTTGAGCGAATATATTTCTATGGAAAA
ATCGAACATCTTGTCAAAGTGTTTGCTAATTATTTTCGGCTATCTTACGGATCTTCAAGGATCCTTTGATACAT
TATGTTAGATATCAAGCAAAATCTATTCTGGTTTCAAAGATACGCCACTTCTGATTACGCCTGTTCCCGCGGT
GGGGTGACCA

>trans_s_5809 AB490003|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitAuR mRNA for auxin-repressed
protein, complete cds

GAAGCAAGTGTCGTAAAAGGGTCGTGTTTGGTGACGTTGACCGGTGGGTTTTGGATGTTTATGTGATATTACA
TGTTCTAACTAGTTTTTTAGCATCCGAGTTGTCCAAGCAAGTTTTTATATTGTAGTGTTGACGGGTGTGTCTG
AGTGCTGGCGCCGAGGTTTAAGTCTGCTGACACAGCCAATGATCGGATGACTACTTCATATGGTATCGTACTA
CTAGCAGCTGGAA

>trans_s_5810 EU930861|Juglans cinerea marker CAPS10 genomic sequence; plastid

GCCTGAAAGTTGGGTAGGACGGCCCTTACGTAAGGCATAGGCTGCCCCAATTTTTATGAAATACAAGATGCT
CATTAAATAATACGAAAATAATCTTCACTTCGACAACTCAAGATATTCAAATACATTTTTACGTTCTCTTATAGA

TATAGCATAGTAATTGAAGTCTCATTCATCTTATTATTAATAACAATTAGAGATTTGGTGAGATTATAACCGC
CAATAGAGCCT

>trans_s_5811 X59885|L.esculentum pT62 mRNA for ribosomal RNA internal fragment,
homologous to 26S ribosomal RNA

TTTCATAAGCATCGGTATGAGGATATGATGTTGAATTAGTAAAAGGTCTGAGAAGGAAGATTATGTTGGTAG
AGACGATGTTTGAGGTTAGAAGGGTGAAGCAGAATTCACCAAGTGTGGATTGTTCACCCACCAATAGGGAA
CGTGAGCTGGGTTTAGACCGTCGTGAGTGTCTGTGAGACAGGTTAGTTTTACCCTACTGATGACAGTGTGCGA
ATAGTAATTCAACCTA

>trans_s_5812 DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K
(matK) gene, partial cds; chloroplast

TCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTCACGTTACAAAATTCGCTTTAGCCAAT
GATCCAAGCAGAGTAATAATAGGAACTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAAATGAATTTTC
TAACATCTGAGTCCATACCACTGAAGTATTAATCGAACACTTGAAATATAGCCCCAAAAGTCAAGAGAACGC
TTGGATAATTGG

>trans_s_5813 S46795|atp6=ATPase subunit 6 [Brassica napus, Regent, pol, male sterile,
Mitochondrial, 2498 nt]

AACAAACCTATCCAAGTCGCATCTACATATCTTATATCTTCTCTATTCATAGGAGATCTTGGTCCTTTATTTATA
GTTCTTGCAATTAACCGGTTTGGAATTAGGTGTAGCTATATTACAAGCTTATGTTTTACGATCTTATAGACATAA
ATGAACGGCAGCATCGTGGGCTCTTGCCGGGGCAACCGCCCGCCGCGGCCAGGTGGGGATAGAATCTCTGT
CAAGGGGGCC

>trans_s_5814 AY527193|Citrullus rehmii voucher NAM1887_2 NADH dehydrogenase subunit F
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

AAAGGCGCATCTTAATTTTATTTGTAAAGATGAATAAGTGGGCTTATAGAAGAAAGACGCTATAAATATTCC
GAAATAAGCTATAGTCACAGAAAAAGTTGCATTTTTAGAGGGCCCATACCAATTTTCAGAATCTTTGAACTTT
CATGTAACAAGTTTATAGACGGAGTTAACCATTTGTCTAATATATTCAAATCAATTGCTTCTTGATTGAATTGAG
TGAACGGGCTT

>trans_s_5815 XM_002866076|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein 81-4, mRNA

CGCTTCCACTCTACCAAGAGTGGCGATGAGTTGACAAGCTTGAAGGATTACGTGACCAGAATGAAGGAAGGC
CAGAACGATATCTTTTACATCACTGGTGAAAGCAAGAAAGCAGTAGAAAACCTCTCCTTTCCTTGAGAAGCTCA
AGAAGAAGGGTTACGAAGTTTTGTTTCATGGTTGACGCGATACTACTCATACGTCAGCCAGTCAACTTCCTCAA
ACTTCCATTCTTCTT

>trans_s_5816 EU849932|Manglietia pachyphylla voucher Nie & Meng 479 phytochrome A (PHYA)
gene, partial cds

AGAGGAGAGGAAATTAAGTATAGTTGTAAGTAGATTAAAGAAAAATGCTGAAGTCTCATCATGTGTCTTCCAA
TTCCAGTTTAGAGGCTGCAGTGTTTGTAACCCAAAGCTATTTCTTTGAGTAATGTGGGACAGACTTTGCTTC
CAGTAAGATGGGAGGGTGGGAGACAAAATGCAAAGTCTCATCGTCTACATCCACGGCCATAATGACGGTGGC
ACCGACAAGCCAGT

>trans_s_5817 AY110220|Zea mays CL3641_1 mRNA sequence

TGGTGGGCATAGGAGACGTGTGCACACTCCAGAGGCAGGTCCCATCCATGGAACCTGAGAAGGGCAATGTCT
TCCTCCGCATCCAGTGAATTTATGTAGTCTAATGTCTCAGCATCATATGGTTGCTGGGATTGTGGCCAATAGAG
CCAGTCAAATGTACAATCTTCAAACTTGTTGGCAAGCAGTATCCATGATCGATTGGAATAAGCACAGTTTGA
CCCCCTTCTCTT

>trans_s_5818 AY727977|Gordonia lasianthus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCGGGGGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTAGCCGCCACGTCCCGGTTGAGGAATTTTAACC
CGATTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTGTTGCGCGCAGAAGTTTTGGGAAAAACAGAGATAGGATCGACTAACCC
ATGTGCAAGTGCCGTTGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTCCCTCTTCGCGCCTT
CAAAGTTCTCATT

>trans_s_5819 EU912403|Brassica napus WRKY33-1 transcription factor (WRKY33-1) mRNA,
complete cds

TTTTTTTTTTGAAGTTCTTGAGTGTACACATGAATGAAACAAATCCGTGTGTATGTATGTGGTAACAAATCGAG
GATAGAGAGAGAAACGCTTGTGTACTAATACGACTCTGTAATAGATGTAACGTGTAGCCTAAGCAGAGGATA
TAAAATCCTAGAGGTTGTAAATTCTAGTTTTGTAAATTCTTATTGATTATTTAGCTTTTGATAGTGATGATTCT
TTTTTGCTAA

>trans_s_5820 NM_001112789|Zea mays LOC100127534 (TIDP3061), mRNA gb|EF396226.1| Zea
mays AN14 mRNA, complete cds

CGTCTGCTGAATAGCGTACGACAAAACAACTCAAGCAACTTGTAATTCATCAAATGCAAGCAGCACCGTAGAG
AAGGTGAAAGAAAGCCCAAATAGGTGCAGCAGCTGCAGAAAGCGCGTTGGTCTAACAGGGTTTAACTGCCA
GCACAAGGATTCTCCTCATGACTTGCTATCGTCTCAATAAACACAACCTGCTCTTTTGATTACCAGGCCGTTG
GTCGGGAGGCCCGG

>trans_s_5821 GQ997317|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 7 protein (ndhH) gene, complete cds; chloroplast

GACAGCGGTTGCTGAATATCAAAAATTATTACACAAAATCCTATTTTTTTAGAACGAGTTGAGGGAGTAGGT
ATTATTTCTGGAGAAGAGGTCATAAATTGGGGGTTATCAGGACCAATGCTACGAGCTTCCGGAATACCATGG
GATCTTCGTAAAGTTGATCGTTATGAGTGTATGACGAATTTGATTGGGAAGTTCAGTGGCACCCCCGGGGCG
AAAGCGGCTAGGGT

>trans_s_5822 AF170087|Cucurbita pepo silverleaf whitefly-induced protein 3 (SLW3) mRNA,
complete cds

AATCCCAATGTTGATCCTAACAACCAAGCCAAGTCACTGATGCACATGCTGATGTTTCAACTGATCGAGATG
GAGTTTCAATTGGTCCAAAGGTGAGGAAAGATTCTTGGCTTGAGTTTATCCTCAAGGATTGAAAGATCTCAT
GATACATATAAGAAATATTACAGAGACCCACCCATCTACATAACAGAAAATGGATATCTTGACTATGATTGTC
CCACATGGTCTC

>trans_s_5823 AF387795|Cucumis melo transcription factor (EIN3) mRNA, partial cds

TTCAAGCAACTTCCTAATGGCGGTTCGACTCGCCACGTAAGCTCGGCTCCAGAAGGCCACCATGGCGGAGGA
ACTCCTTTCTCCAATGGAAATCTTCTTTGAGGAGGGTCACAGTGCTGCATCAGAGCTGATAAAAGAGAACCTA
AGGTGGTATCCTGAAGTTCCTGCAAGGTGTGAGGAGTTGGACCGATCGAATTACAGCCATCGTTTCGTCCAGG
AATTGCATTGTCTG

>trans_s_5824 Novel Gene

AGATTATAAGCTACGTAGAACCAATTCAGATAGAGGCGGAGTAGGAGTTGAAATTGATAAGGACAATGAAAT
GACTCCGGACGAGTTCCAGAGGTCTCGACTGAAAGGAGAGTGAGGAGTGCGAGAGAAAGAAGCGAAGCGA
ATACTCGTGCAAGTGCTGGAGCCGAGCAATATGATATTTGGGCTTAAAGGAAGTGAAAGGAAGATAGGCTTT
CTTGGAGGTCTCGACTGA

>trans_s_5825 AP009370|Barbarea verna chloroplast DNA, complete sequence

GAAATATTCTACTGATACTAATATCAACTATACTGATGAGTCTGAGGACTCAGATCAAATTTCTCTGATACGC
TATTCTACCAATCGGATTTTCGTGAGAGCTAATCAAAGGCTCTATGCGTGCTCAACGACGTAAACATTTAT
TGGGAAACTGTTTCAAAAACGTGTACATTCTTTCTTTTTTTGACAGAGTAGCCAAATCTCGAGAAGAAGTGT
GGACAATGTG

>trans_s_5826 NM_101442|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT1G15740)
mRNA, complete cds

TGTATTCTCAGCTTCTAAATAATATTTCAATACAAGCTTTTCGAGATTGTGCTCTCCAGGATCTTCACTTTGGAG
AATGTCCAGGGGTGAACGATGCTTGGATAGATGTCATCTCCTCGCAAGGATCCTCTGTACTTTCTGTGGATCTT
TCTGGCTCGGAAGTAACTGATGGTGGATTGATGAACCTCAGGAATTGCGCAAATCTCCAATCCTTAAATTTTCC
AGGAGTGGA

>trans_s_5827 AJ236706|Humulus lupulus Hl7SL-1 gene for signal recognition particle

ATATTTCATAGTCAGAGGTGAAATAGAACCTAAATACAAAGAGTAGGTTTCTGCGAAAATGGAGGCATTAAA
GTGGCTGGAAGCGGGCTCAGCCCTTCTGGTAGGGTCTCTTAGGGAAGATTACTAGCCCGCCCATTTCCAAGTA
GGAAGTTGGGCCATTGGCTTTGGGCGAAGGCCGAGAGTCAGTTGCCCTCGGAGTGGGGGACACCGCACAGA
CGACCAGAGTGTCTT

>trans_s_5828 AB517652|Dianthus caryophyllus DcLTP1 gene for lipid transfer protein, complete
cds

TATAATAGTGAGGCAGTAGATGCATGCGGTGGAGGATGATTATGATTACCATTTATTTAGTTCACCCTGCTGC
AGTCGGTGTTGGGGCTGATCGGGTAAGAAATACTGACACCACACTTGCCGGGAAGGCCAGCGGCAGCTTTAT
AGTGTCCCCCGCTTGCACCATTCGGCTACCGAAGACGCTTTAGTCCACTCAGCCATCTCTCCCCACCTCCGCCTC
CTCCCAAATC

>trans_s_5829 X86563|Zea mays complete chloroplast genome

GGTGAAACTGAAATCCAAATGAAATCACTAACAGACACTCTTCTCACTTCCCTCTATGGGTTTTCTTATAATTT
GGATATGCTATTTTGGGGTCAATCTATTAGGGATAGGGCTACATAGTTATGGTTCATTTACATTAAACATCTAAT
TGAATTCATTCACTCCCCCGGTGACGAACACAAACATGGAGGGGTATAGATAAGAAAATTGTGTGTAAGAC
ATCGAGCACC

>trans_s_5830 EU372997|Gossypium hirsutum gland development related protein 4-like mRNA, complete sequence

GTGTGAAGTTTGTGAACGGAGTCTTCTCGATTCAATTCGATTCTGTTCTTGGATGTAAGATTGTTGGAACAT
CGAAGAATTATGAGAAGAAACGGAGAGTGATGGGGTTCGGATTACAGAGGATTCGTCGTATAGTAGTAATAGC
AGTCAAGGGAGAATAATGAAGAACAGCAATAAGAACAGAGTTGTTTCAGAGTTTTACACCGTCGACGCCACCG
CCAACGCTGGTTAG

>trans_s_5831 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

CATACTATACTTATGGCTAGAATCCGTTACTTGAACGAACTAGATCTTGTGGAATCATATTGAATATTTGACA
AGACATTCCGTACCTTGCTAAAAAACCGATCCTTGTTTACCAACCACACATTGTCTAACCAAATCCAATTCTCTC
TCGATATGTTCTCAAAAAATCCGATTTCGTGCGGATTCTCCCCCACTAAAGAAGAGATCTTGGCGGAATTGC
CACATATG

>trans_s_5832 AB516320|Asparagus officinalis chloroplast gene for ribosomal protein L16, partial cds

GCTGTTGTAAACCTACGTATATTTCCGGACAAACCCGTTACACTAAGACCCACAGAAACACGTATGGGTTCA
GGGAAAGGATCCCCGAATATTGGGTAGCTGTTGTAAACCAGGTAGAATACTTTATGAAATGAGTGGAGTA
GCCGAAAATATCTAACTCCCCTCTATTTCAATAGCGGCATCCAAAATGCCTATACGAACCAATTCATTACTCG
GGATAGAAATG

>trans_s_5833 HM363070|Chasmanthium latifolium cytochrome f (petA) gene, complete cds; chloroplast

GTGGATGCAGCGAATGGGCGTCAAGTGGTTGATATTATCCCTCCAGGACCAGAACTTCTTGTTTCAGAGGGCG
AATCCATCAAACCTTGATCAACCATTAAACGAGTAATCCTAATGTGGGAGGATTTGGTCAGGGAGATGCGGAAAT
CGTCCTTCAAGATCCATTACGTGTCCAAGGCCTTTTGTTCTTTTTTGCATCTGTTATTTTGGCACACCAGACCCC
GTTTCTGGGA

>trans_s_5834 AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein mRNA, complete cds

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGGGACAAAAAGGTTTTCTCTCATGCATCAAG
AAGTATATCAAAAAATTGACACCTTTGCTGCAAGGAGAGCAACAAGAGGCATTTAAGAATAAAATTGAGGGA
GCAGTTAAGTACCTGCTTCAAAGGTCAAGGACTTGCAATTCTTCGTTGGGGAGAGTATGGCCGATCTATCGC
GTGCAACAAAACC

>trans_s_5835 NM_121355|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT5G13520) mRNA, complete cds

AAGGGATCTCTTCTCTCCATTTAACTCGGTGGACAATCCTCTTTAATTGTCATTTACAGTACTACTGTTGAATC
TTCGGTTCTTCAATGGCTGTCCTCCTCCACAGACTTTCAACAAAACCCATCCCTTTGTCTATACACAGTGCCAGG
CTATTCATGCTCGTTCCATTTTCCCCTTCCAAGAACTCCAGCGTTCCTATCCGCTTCTCTGCGCGATACTCGC
GGAAC

>trans_s_5836 NM_102773|Arabidopsis thaliana ERD4 (early-responsive to dehydration 4) (ERD4) mRNA, complete cds

TTTTGTGTTGTCTGCTGTAGTCCTGCTGCCAGTTCTCATTCCAATTGCTGTTACAGATGATGGGATTAAGAATG
CTAAATGAATAATACCCAAAGTGTGGTACTTTAGTGAACCTTGACAATTTATCCATGGGAAATATCAATCTA
CGGAGTAATCGGCTTTGGGCCTTCTTATTAGCCACCTACTGGGTTTCCTTGTGGTATATTACCTGACATGGAA
AGCCCCGCG

>trans_s_5837 FJ267653|Prunus persica cultivar GF305 elongation factor 1-alpha (eEF1A) mRNA, complete cds

AGAACTTGTTGGGTTCCACAGTTGCAAAGGGACCAACCCTTCTTGAGGCTCTTGACTTGAAGAGACTCGGGAA
GAGGCCCTCAGACAAGCCCCTCCGTCTCCCACTTCAGGACGTTTACAAGATTGGTGGTATTGGAAGTGTCCCT
GTTGGACGTGTTGAAACTGGTATCCTCAAGCCTGGTATGGTTGTTACGTTTCGGACCAACTGGACTGACACAGT
CCTGGCCTGAGT

>trans_s_5838 FJ042876|Nicotiana glutinosa nonexpressor of PR gene, partial cds

CTGAAAATGGGTTTGATTGCTTCACCTATGAACATTTCTACGGATTCTTCTTTTATTCAGCAAAGCTCATCCTA
ATATCCGTCGAGATTACTGCCTTAGCCCTGTCCTATCATCTGTATAATGGGGTTCGTCATTTATTTTCATGATTTT
GCTTTCGGAAGAGAGATCTGAACTTCAAAGCCAAATATCTTATGATTGATAGCTCTCTTCTTTCAAGCTTATGC
CGATCC

>trans_s_5839 GQ983587|Lonicera japonica 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGCCCTATACCCAAGTCAGACGAACGATTTGCACGTCAGTATCGCTACGGGCCTCCACCAGAGTTTCCTCTGG
CCCTATTTTAAACAGGCATAGTTCACCATCTTTTCGGGTCCCGACAGGCATGCTCACACTCGAACCCCTTCTCAGA
AGATCAAGGTCGGTCGGTGGTGCAACCCACTAGGGGATCCACAGTCAGCTTCCTTGCCTTACGGGTTTAC
TCGCCCCGT

>trans_s_5840 AJ429733|Phelline lucida chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene (partial) and tRNA-Met gene

CCCCCCCCCGGTGGCTTTTAAAAACAAGATCAACCCAGGCTTTCCTTGTTCAGGCTACTGTTCTCTTGTCTT
GTTCCCTAAAAGTAATAGAGTAAGACATCGATTTCTCAATAAGATCAACTTTTTGATTACATGATGTACTTCTC
TGAAAAACGCCGGCGCGGTGTAAACGAGGTGCTCTACCAACTGAGCTATAGCCCTTGGGTACGGGAGGCAG
GGGGCCTC

>trans_s_5841 GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

GTTCTACCCCGAACACGAACTCCTGAATTTTTCGGGGTCGCCACCTTATCAGGATGGTTCTTGATAGCGGC
CTTTCTATAGGCGAAGATTAGATCGTCTTGCGACGCATTCTTGAGACTCGTTCTATCTCGTAATATTGGTATT
ATCGCTCTTCTTGGCCTTCCAAACATCTTGCCTAGACGATCGGATCTCAACAAACCCTTGAAAACCTGTTGT
CGTACT

>trans_s_5842 Novel Gene

ACCTTATGGATATGTGCATCCTTCGAGAGCACTAGACTGATATGTGCATCTTTCGGGAGCACTAGACTGATAT
GTGCATCCTTCGGGAGCACTAGACTGATATGTGCATCCTTCGAGAGCACTAGACTGATATGTGCATCCCTCGG

GATCACTAGATTGATAGGTGTATCCTTCGGGATCACGAGACTGATATGTGCGTTCTACGGAACCACTAGACTG
TTATGTAGGGT

>trans_s_5843 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTTGCGGAGACAGGATTTGAACCCGTGACTTCAAGGTTA
TGAGCCTTGCGAGCTACCAAGCTGCTCTACCCCGCGATAAAGAGAAGAACTGTGAACTAATAGACAAACAAA
GATTGAATGCACCCCTATACCATATCTGTACAAATAGAATAGTCCATTTATACAGAATGGTAAAGGGGTCCCTC
CCAATTACGTG

>trans_s_5844 L42986|Carteria lunzensis

TGTTAGCGATACGTGGACGTTACAGAAAGGGAACAGGGGAGGTTTTCGCCCGAAAGAGTGAAAAAGAACCT
GAAACCGTGACGTACAAGCAGTGGGAGCACCTTCGGGTGTGACTGCGTACCTTTGTATAATGGGTCAGCG
ACTTATATTCTGTAGCAAGGTTAACCGTATAGGGGAGCCGCAGGGAAACCGAGTCTTAAGTGGGCGTTTTCTT
TACAAATATACTGT

>trans_s_5845 Novel Gene

CCCTGCCAATGTTATTTGGCCCTTGACAGTTCACCCTCTTGGCTCTACCCATGAATTATCTAGTAATCGGTCT
TTCACAACGAGATCTACCTATACAGTAACGGTATTTAATTATGAAGATTGGTTGGGTAGCTGACCCTCTTAGTC
CGTTCTTGTAAGAATAAGGCTATAATCCTTCTGTAAATAGGATTCCTCTGCTTTTACCTATTCGTAAAGTTAC
CAATG

>trans_s_5846 AY727460|Minuartia cumberlandensis tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE) genes,
complete sequence; chloroplast

ACTTGAAGTGCTCTCTCCCTCAAGGAGGCAGCGGGGATTGACTTCCCCTGGGGGTACCACGTTCAATTTCTT
CAACTAGTACCTAATAGTTGTTTGAACCTTAACTATCTTCCCGGGTCGATGCCCCGAGCGGTTAATGGGGACGG
ACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCCACCACGTTCCAATCTGTAGACA
CTCTCTGC

>trans_s_5847 Novel Gene

GATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGGCGCGAGACAACTCTCTAATTGCCCGTGGTATCTAATGTCCAGA
CCATTTGATGGTTGGATGTTTCGTTTTGAGGGCATAGAGTAATACACAGGTCTTTCGACACAGTTAGCTTATA
TAAACAAGCTTTCTGTTACTGAATCCCTGCGTACATATCAATCATTCTAAGTCTGACTCTCGAGGGGAGGT
TCTCTATC

>trans_s_5848 GQ475076|Cucumis sativus GA-like protein mRNA, partial cds

TCATTCAAATCTCAAAACCTTATTTACAACATATCATCAAATCCAAAATGCAGGCCGCTGTTCTTAGCATTGCT
GTTCTTCCCTTCTCCAGCTCAACACTTTCCAATAGTAGCCATTCTATTTCCCTTTCATCACATTTGGTTCTAA
CTCATCACGTCGCTCGGCCATCAAAGCAACCGCCTCGGTCGTCTATGACACATCTGTAGTTGATGCGCTCTCTG
TCG

>trans_s_5849 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

TGCAGCTTATATGGGTGAGTATAAAACATGCTTGGTGTATGCAGATCAATTGAAACAACGATGCGTTGAGAAA
TTCAAGGATGGGTGTTTGGGAATGGAACAAGTCTGCTGTAGATGGACTTTGTGCTCTTGTTGCCAAGGCTG

TTGGAGAGTTGGACTCTGTTAGAACCTACCATGTGAACCTCTCTGTTTTACATCAATCCGGATTTCTGGGGT
AGATCACAG

>trans_s_5850 EF199769|Picrohiza kurroa 4-diphosphocytidyl-2-C-methyl-D-erythritol kinase
(lspE) mRNA, complete cds

CAGGAATACAACAACGATTAGTTACGAGTACTTTGATCTCTTTGATTTTCTTTCTTTATCTAAAATCTTGTTATA
TTTTCTTTCTTTTCTTGTTCTAGTTTGTGTTGTTGAGTGGATTGGAGAGGTGCACCTACCACTCATCAG
GTGTTTCAGCTGACTTGCTTGCACTGAGAGACCCCTATTGTATTGGATTAGGTGCCCCGAGTTTATGTGGTCT
GGCC

>trans_s_5851 Novel Gene

TATGGGAATTTTGATTTCTTCAACGAGTACTAATTGATGGGAGAAAGACATATGTGCCATATGTGAATTACCAC
AATTATTGGTAGCATCATATTCAGGATTCGAAGGCGTACTGGGTCTAGTTGATTACGCCCGATTTTCTAATGA
AATAGAGTACTATACGTTTCCGGAAAGCACATACATAAAGGGAATTTGGACGATACAGGACGGGACCCCTGC
GGACCCCAA

>trans_s_5852 HM049166|Nicotiana tabacum cultivar Xanti G-strand specific single-stranded
telomere-binding protein 1 (GTBP1) mRNA, complete cds

CAGGAGGATAGATCCTTGTTAAAGAAAGCATCCCAGATAATGCTTCAGTGAAAGATAGTGGAATTTCTGAT
GCTCCTAAGTTACTTGAACAGTTTTGAGTGAAGTAGATGGTGAAAAGCATCCTTAGATGAAGAAGGTGATA
TTGAGGGTTCTGGTACAGATGGAGAGACTGAAGGTGAGATATTTGGTAGCTCTGAAGCTGCTAGTCTAGTCTT
GTGAAGTGACA

>trans_s_5853 Novel Gene

CGGGCACTTCTTCTTTAAGCTCTACGGGAACTAAGGAACATCCTGTCTTTTACCGCTCCGTGGGTAGTCCTA
TGCATAGTCAGTACTATAGCCCAATCATGGCTACTAATAAAATCAGACTAGAAAGCAAAACCAGACGAAAT
AGTAGGTATAAAGTAAATTGCCCAATGTTTCAAATTAGTCCAACCTTCGTACCTTTCCGGCATAAACCGTATAT
CTAAGAGA

>trans_s_5854 AF534781|Coccinia adoensis 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCGGCACGGCATGTCCCTCTCTAGGAGGTGAGGTACCGTTGTAGAGATCTTCCAGCGAGACCTTGAGGGG
ATGGATAACATCCTCTCTTTCTCTCATTCTAATTCTCATCATCCTTGTTGTTGTTGGGGCCAGTTAAGGCCAG
GAGCGCAACGCCGGCAGAAAGGACGAGCCGACCGGTGCTCACCATAGGCGGACCGATCGACCCAACCCAAG
GTCCAACCTACG

>trans_s_5855 AF478458|Capsicum annuum DNA binding protein Rav mRNA, complete cds

AGCACGTGCTTACGACGTGGCTGCTCAACGTTTCCGTGGCCGTGACGCCGTTACTAATTTCAAGCCGTTAACAC
ACGGCGGTGGTGAAGAAGACGACATCGTATCCGACTTCTCAACTCCCATTCCAAGTTGGAGATCGTGGACAT
GCTCCGTAAACATACCTACAATGAGGAGCTCCAACAGAGCAAGCGGCACCAGCGGGGGGCGATAATCTGGTC
GGGCATTGAC

>trans_s_5856 AY103907|Zea mays PCO122604 mRNA sequence

AAATGAACGGTCTGTGAAGCCAACGAAAAAGGAATTCATGGATCCAAGCATGTGCTATCTTCCTAATGGATAT
CCGTCTTATTACTATGGAGGGTTTGATGGGACTGCAAATGACTGGGATGATTATTCAAGATACACAAATTCAG
ATGGGGTTGAAATGACTTCTGGAGTCTATGGAGACAATGGATCTCTTATGTATCACCACGGTGCGTTGCGGTG
ACCCTATGG

>trans_s_5857 AJ429670|Plocosperma buxifolium chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene
(partial) and tRNA-Met gene

GGGGGGGGGGCTGTTAGCCCGTTTTACAGATCTTCGGACCGAACTTCCTGTCAGGCTACTGTTCTTGTGTTTTG
TTCCCTAAAAGTAATAGAGTAAGACATCGATTTCTCAATAAGATCAACTTTTTTGATTACATGATGTACTTCTCT
GAAAAACGCCGGCGCGCGTGTAAACGAGGTGCTCTACCAACTGAGCTATAGCCCTGTGGGGTCATCTTCCCT
ATTCCG

>trans_s_5858 EF551321|Acetabularia acetabulum elongation factor 1-alpha mRNA, partial cds

GAGCTTCATGGTGCATCTCCACAGACTTAACTTCAGTAGTCAGTCCAGTTGGGGCGAAGGTTACCACCATACC
AGGTTTTATAATGCCAGTTTCAACACGACCCACTGGAACAGTTCCAATACCTCCAATCTGTAGACATCCTGAA
GTGGGAGACGAAGGGGTTTGTGACACGGTCTCTTGGCTGAGCGGTCATTTAGGGGCCTTAGCTGGTGATCCG
GGCTGTTTC

>trans_s_5859 AY389632|Hyacinthus orientalis ribosomal protein L18A (RPL18) mRNA, complete
cds

CCATAGGGTTAGGCATCCTTGCATCCAAATTATCAAGACAGCAACCGTCCCGGCCAAGCTTTGCAAGAGGGAA
AGCACCAAGCAATTCCATGACTCCAAGATCAAATTCCTTGGTTTTCAAGACTGTTAGGCCACCCACCAGAAA
GCTGAAGACCACTACAAGGCTTCAAAACCCAATTTGTTTATGTAATTTGGTTGTTTAAGGAATGAGAAAAAG
CCATCAGA

>trans_s_5860 NM_001069346|Oryza sativa Japonica Group Os09g0298700 (Os09g0298700)
mRNA, complete cds

CTCCGTCACGCAAGATGATTATCAGTCTTAGGAGTGAAGTGGAGGGATCTTGTTCAAAGTACTACGAAAGCGA
GAGAGAGACTACGGGGTCAGGGTAACTTCAACCTTCCGGGCCTGGGGCAGGCCTACCTCCTTTAGCACGAT
GACCTTCCGACAAGGTGAGAGTCCGACGATTCGGGGGAGGAGAGAGAGACGTCTCTCTCGAGAAGTTAGA
CTTCTGAACAC

>trans_s_5861 EU002490|Coriaria nepalensis RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

ATTTTAGAAAAATGCGGGGTGTTTTGTTGACCTGTAATCATATATGAACTAGCCGACGGTATCAATTTAGTAA
AACTTTTCCACAGGATCTATTGCAAGAAAGGGATAATCTGGAGCTTAGAGTTGTCAATTATATACTTTATGGA
AATGGAACCAATTCGGGGAATTTCTGGCACAAGCATTACGGCTGGATTACAGGTGGGCGTGTTGTTAACCC
TGGGATG

>trans_s_5862 Novel Gene

GTCGCTACCCCTGGTATGTGCCGCTTTCCTAAGAAAAAGATGAGGAGGCACCCCTTCTCCCGAAGTTACGGG
GCTATTTTGCCGAGTTCCTTAGACATGGTTCTCCAAGCACCTTAGGATTCTCTCTCGCCTACCTGTGTCGGTT

TGCGGTACGGGCACCTATGATCTAACTAGAGGCTTTTCTTGGCAGTGTGAAATCCGGAACCTTCGGTACTCAAT
TTCCCTC

>trans_s_5863 AP009373|*Draba nemorosa* chloroplast DNA, complete sequence

GTAGAGTTTAACCAGACAAAAAGAAGAAATGGCAAGATAATTTGTGTATACCAATGGAGGAAATAAATAAA
AAATGTGGAAAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAACACTGTAGACCAATTGAAAGGGATGTAGCGCAGCTT
GGTAGCGCGTTTGTGTTTGGGTACAAAATGTCACGGGTTCAAATCCTGTCATCCCTACCACGCCTTGGCCGTTGT
CGCTAAGTCC

>trans_s_5864 AY173936|*Cucumis sativus* ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

TGTATTACCAGATCACGCACCTATTGCCACAGCTGTAGATATAGTGCGGGTGAAAATACGCCTTACTCCTAATG
ATGGATGGTTAACGATGGCTCTGATGGGTGGTTTTGCTAGAATAGGCAATAATGAGGTCATTTTTAGTAAA
TGATGCGGAGAAGGCTAGTGACATTGATCCACAAGAAGCTCAGCAAACCTCTCGAAATAGCGGAAGCCAACCT
GAGGAAAG

>trans_s_5865 AP009374|*Lepidium virginicum* chloroplast DNA, complete sequence

GAGCAGCGGTGTAGCATCAGATCCCAAAGACAGTACTCTCTTTTCTTTCTTATGAAGGAAAGTCTTTTTCAAGG
ATTCTATATAAATTTCTAGATGAAACCGAGATAGTTATCTTTCAGAAAAACGAAAGATAGTGGGTGGAATGC
CTATGCTTTATTCTTCTGAAGGTGGGAGAAAAGATAAACTTAAATTAATAAGTCGTCGCCGGGGGCAAACTT
TGAAAC

>trans_s_5866 DQ673259|*Jasminum subhumile* psaA-psbB fragment, chloroplast

AGGTAAGTGAAGACGTCTCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGAGGTCTCTTTCCTTGTT
GGTCTTGTAACAAAAGCCTACATAGCAGTTCCAATGCTACGCCTTCAACCACTCGGCCATCTCTCTACAGAA
TGATTATGGCCCAGAAACCGAGTTAATAGTGAGTCATTAATATTCAATTTTTTTTTTTCGCTTACATGGGTTGG
TTAGAGC

>trans_s_5867 AB601112|*Vitis* hybrid cultivar Tam-LOX mRNA for lipoxygenase, complete cds

AGGAACAATAGTTTCCAAAGTACTGAGAGGATGAGGCTTTGAAAAACAAGAACTATTTATACTAGATTACCA
TGACCTCTTCCTACCATATGTAGCCAAAGTACGAAAACCTAAAGGCACCACATTGTATGGTTCAAGGACATTGT
TCTTCTTACACAAAGATAGCACTCTAAGACCGTTGGCTACCAGATCTGTATCCGGTGGTGCCAGCAACAAACC
ACAACAA

>trans_s_5868 AC005405|BAC F18A17 from chromosome V containing TINY at 60.5 cM, complete
sequence

AAAAAAAAAAACCCTCGGGTCCGGAAAAAGGGGTTTGGAATAGTTTTCAACCAGCAATAGACGCGCCTCG
GTTAGGAGTTCAAAATAAGGAGAGGAGCGAAGCCACTCGACTGAGGTTAGGAAGGAGAGGAGCGAGACTA
AGAAGGAGAGGATCAAAGGAGAAGAATTTGTGGAGAAGGTCCTTATCTCTTCTTTATGGGAGTGCAACTCAG
AATGAGGAGACCC

>trans_s_5869 M55088|*Vicia faba* chloroplast transfer RNA-Glu and transfer RNA-Tyr

CACTTGAAGTGCTCTCTCTTTCAAGGAGGCAGCGGGGATTCTGACTTCCCCTGGGGGTACCACGGGGTTTTTCC
TTCAACTAGTACCTAATAGTTGTTTGAACCTTAATAAGAGGGGGGTCGATATTTAGATAACTAATGGGGAC
GGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCCCACCAACAAGGTGCCGTTGG
ATCTGGAA

>trans_s_5870 AJ247582|Pyrola secunda cox1 gene (partial), exons 1-2

CTTAGTTTAAGGGCCATTGAAAACCGAAGAACCAAAAGAGATGCTGGTATAATATGGGGTCTCCCCCTCCAGC
GGGATCAAAAAAGGTTGTATTAAAGTTTCGATCGGTAAATAACATGGTAATAGCCCCTGCCAGTACCGGAAGT
GATAATAAAAGTAGGAATGCTGTCACTAGAACGGACCACACAAAGAGGGGTAATCTATGCATAGTCATTCCA
GGTCCACG

>trans_s_5871 AJ429634|Dipentodon sinicus chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene
(partial) and tRNA-Met gene

GGGGGGGGGGCTGTTAGCCCGTTTTACAGATCTTCGGACCGAACTTCCTGTCAGGCTACTGTTCTTGTGTTTTG
TTCCCTAAAAGTAATAGAGTAAGACATCGATTTCTCAATAAGATCAACTTTTTTGATTACATGATGTACTTCTCT
GGGGGGTGCCGGCGCGCGTGTAACGAGGTGCTCTACCAACTGAGCTATAGCCCTGCAAAGGATTCTACCAG
CTGCT

>trans_s_5872 GQ998564|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 ribosomal protein S12
(rps12) gene, complete cds; chloroplast

ACCCAATAACGAAAGTTTCGTAAGGGAACTGGAGCAGGCTACCATGAGACAAACAAAAGATCTTCTTTCTAAA
GAGATTCGATTCGGAATAATTATATGTCCAAGGTCCAATATTGAAATAATTTAGAGGTTTTCTTGACTTTGTC
CGTGTCACAAACAATTCGAAATGCCTCGACTTTTTTAGGGTGACAGGCTCAGTTTATCGCCGTATTCGGGATG
GGAG

>trans_s_5873 D82050|Fagopyrum esculentum chloroplast DNA

GGAGAGATGGCCGAATAACATGAATCTTATTTATCCAAATTTCTTTTTCTCACTATCATTTTTCTAGAACTTTT
ATTTAGCATTGAGAATAATAAACTAAATTGATTCGTCTCCGGTAAGGACCACTCAACAACGGATCATATATT
TTGGTAAATAGTCTTTTTTAGTTTTATCATTACATAATTGAGTCCTTTTTGCAGTACATCCCCACAGCCCTGCC

>trans_s_5874 GU295068|Gossypium hirsutum thiazole biosynthetic enzyme mRNA, complete cds

AATGTGATGGAGGCTAAGGTGGTTGTGAGCTCTTGTGGCCACGATGGACCTTTTGGCGCTACCGGAGTCAAG
CGCTCAAGAGCATCGGCTTGATCGATAGTGTCCCGGAATGAAGGCCCTTGACATGAACACTGCTGAGGAT
GCCATTGTTGATTCACCTCGAGAGGTCGTTCTGGCATGATTGTCACCGGCATGGAGGTTGCCGAGATGAGCA
CTCGTGGTG

>trans_s_5875 AY616074|Prototheca wickerhamii plastid 1,2-diacylglycerol 3-beta-
galactosyltransferase mRNA, partial cds; nuclear gene for plastid product

ATGGAAGTGCATCAAAGATATGTGACGGGGGATTATAGATCCAATCCTTTACTAGATATGGAGCGAACGCGT
TATGTTCTGATATTACCGGAGTTAACGTCACAAAGTAATTATAGTCGATGTCGATGGCTCCTTTTTGGAATCTC
CGTCGATTGTTGGTATCATATTCCATTGCCTTGTGGAGCAGCGTTGCTGCCTTTACTACTTGGGACTGGCCATG
AGACAT

>trans_s_5876 FN563074|Acrosiphonia sp. SAG-127.80 plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1 and 23S rRNA gene (partial), strain SAG 127.80

CGAGCGTGACGGCGCGAGCAGGTGCGAAAGCAGGTCATAGTGATCCGGTGGTTCTGAATGGAAGGGCCATC
GCTCAACGGATAAAAGCTACCCCGGGGATAACAGGCTGATACCGCCCAAGAGTTCATATCGACGGCGGTGTT
TGGCACCTCGATGTCGGCTCATCACATCCTGGGGCTGAAGTAGGTCCCAAGGGTATTTAGTGAGATAAAAAATT
TCACCATGCG

>trans_s_5877 FM992575|Mesotaenium sp. chloroplast partial 23S rRNA gene, strain no strain available

AAGGTAGATGAATCGATCTGGAACGATCAGCCAGAGCAGGTAACAGCCCTGTAGTCGAAACCTTTCTCCCTCC
GGAGTGTATCCTGAGTACGGCGGAACACGTGAAATTCGTCGGAATCCGGGAGGACCATCTCCAAGGCTAA
ATACTCCTCAATGACCGATAGCGTACAAGTACCGTGAGGGAAAGGTGAAAAGAACCCTATTTAGGGAGTGCA
ATAGAGAA

>trans_s_5878 AP009371|Capsella bursa-pastoris chloroplast DNA, complete sequence

AGGGTAAGACAATATATTTTCTAATAATTGATTGAGTTATTAACAAAGAACCTCTTATTACTTGAGCAAATCGA
ATGCTATCCCAGAGTTCTCTATTTCTATACGTCTTTCTTCTAAGGTGCTTTTCAACAACTTTCTACTTTTTTGCAT
ATTTTCGCTTCTCGTTTCTTGAACAACGACTCTCGGCAGTAAGCGCTCTAATCTCTATGCTAGCAGGAGGTAG

>trans_s_5879 EF051323|Gymnadenia conopsea 60S ribosomal protein L12-like mRNA, complete sequence

ATGGGCTCTTGCCACCTTACCATCGACCGTACACCCAACAGAAACGCAAGTACCGAGAATCTCCTTAACGGA
TCCACTGAGATCCTTAGCCATAGACCTGGGGCGCATAACCCTAGCAATCTCAATAACATCATCAAGAGAAATA
TTCCATTATGCTTGATGTTCTTAGTTTTCTTCTGTACGTTCCGGCTCCTTCAAAGCCTTAATTACCAAAGCCG
CCG

>trans_s_5880 NM_104501|Arabidopsis thaliana dormancy/auxin associated family protein (AT1G56220) mRNA, complete cds

TAAGTCCAGAAAGAAGGCTAAGCATGGTTCTAGAGACAGTAAGGATAATTCTGCAAGGAAAGAAGATCTTAA
AGTGGAGTCACTAACTGAGATAGTTGATAAAGAAAGTGATAAGAGAAGTACAGAGCCATGTTCTGCGCTTAC
AAGAATAAATCAAATGGATAATGGCACTAACTCTATCATAGTGGCTAATAACAATGACTCTATTGAGGCAGCC
CACTTGGG

>trans_s_5881 AJ246009|Capsicum annuum mRNA for partial glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase, subunit GapA2

TTCAGTCGATGGCAAGATCATCAAGGTGGTTTCCAGCCGCAATCCTCTCAACCTTCCCTGGAAGGACTTGGA
ATAGACTTGGTGATTGAAGGAACTGGAGTGTGTTGATAGAGAGGGTGCAGGGAAGCACATTGAGGCTGG
AGCTAAGAAGGTCCTAATTACAGCACCTGGGAAAGGTGACATTCCAACCTACACCACACCCCAATTACTCTCA
GCTTGTGA

>trans_s_5882 DQ226756|Boechera divaricarpa isolate SLW-D-E01 mRNA sequence

ACCACACTGGGGTCTGAGACACGGCCCCGGAAGTCCACGGGGGGCAGCAGTGGGGAATCTTGGACAATGGGC
GAAAGCCCGATCCAGCAATATCGCGTGAGTGAAGAAGGGCAATGCCGCTTGTAAGCTCTTTCGTCGAGTGC
GCGATCATGACAGGACTCGAGGAAGAAGCCCCGGCTAACTCCGTGCCACATCCCCGGGTTTAGTTTCTGGAA
GTTTCGTGTTT

>trans_s_5883 EF207445|Hamamelis japonica inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CCGAAATGCGTTGAGGCGCAGCAGTTGACTGGACATCTTTCGGTTCGATGCCACGTCGTCGATAGCTCAAGG
GCGGTGACCGACGATGCTATGATTGAACCAAGAACAAGCTTTTTCACATCTTGATAGGAATCTGTTTATCTTTT
TTCAGTAGATTTACAGAGCCGTTTGTGTGATTACATTTTCGTGCAACAAACCCGACCCTCAAAGGGATGTTT
TTTTT

>trans_s_5884 X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

TGTAGGAGATGAGGGAGATGTCCGCTCTTACCACACGTAGCTACCCAGCCATGCTCCTGGCGGAACAAGTGG
TACACCAGCGGTGTGTCCATCCCGGTCCTCTCGTACTAAGGACAGCTCCTCTCAAATTCCAACGCCCCACACCG
GATATGGACCGAACTGTCTCACGACGTTCTGAACCCAGCTCACGTACCGCTTAATGGGCGAACAGCCCAACC
CTTGG

>trans_s_5885 U04314|Mesembryanthemum crystallinum chloroplast cytochrome b-559 alpha
subunit (psbE), cytochrome b-559 beta subunit (psbF), and photosystem II polypeptide (psbL) mRNA,
complete cds

TGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATCACCAGTTAAGCATACTGGGTCATTCATAGCATTACTA
TACCTTCTCTATTTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTACGACGCGGTTTAGCTTACGATGTTTTTGGAAGCCCTCGTC
CAATGAGTATTTTACAGAGAGCCGACAAGGAATTCCATTAATAACTGGCCGTTTTGTAAGAAACCTTGTTGA
GC

>trans_s_5886 X05917|Pea plastid genes rps2, atpI, atpH, atpF, atpA, trnR and trnG coding for
ribosomal protein S2, one CF(1) and three CF(O) subunits of ATP synthase and tRNA-Arg and tRNA-
Gly

CTTTGCTTTTAGGGTCTATGGAGTCCCCCAAAATTGATTTATCTTATTATTAATCAAGAATTCGTATAGAGC
TAGAACGACCCTCCGAAATTGCAATACTAATTTGTTAAGAATTAATCGGATTGAAGCTATAGCATCATCATTC
GCTGGAATCGCAATATCTGCGAGATCGGGGTCACAATTTGTATCAATTAACCCGAGGCCCGCCGACGTCT
CC

>trans_s_5887 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTTGTGGAGGTAAAGAAACCAATCTTGAG
TGAAATAAATACCGCGGCTTCGGTCTTTTTCAATAAAATCATCACGTAGTAAATCAACAAATCCTAAAGTGATT
TCTCTTTCCCTTCAAGTTTACCAACTACGGTACCAGCGTGAATATGGTCTCCACCAGACATACGTAACGCTTTA
GC

>trans_s_5888 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete
cds

GCACGCGGCGACTTTCTTGCAACTTCTTTACAATTTGATTTGTGTTCTGGAAATACTCCAGCGAATCCATCAG
CCTTCTCAATCAACTCTTCAACTGGAAGGCCAGCAATGCTTTCGTCTTGTGCTGGCCGAGTAAGGAAGAAGA

TGGATACATGTTTCGTTCCCATTTCCAAGTCTTCGACCGGTTTCCTTTGCTATAGCAAGTGTATCACCAGTACGCAT
C

>trans_s_5889 DQ069687|Nuphar advena photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, partial
cds; chloroplast

TTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTGAATATTTGCTACTACAAAAATACATCCCCTCAGCCAAAGAAA
GATGATGGAGAGTTGGCCGAAATGGGCACTAAATACTTTTCGAGAGATCTCCTCCAAATCACTAGTATGGCTA
TCGAAATCGTGAGCATCAGCATGAAGGTTCCAGATCCAAGTGGTAGTATCAGGACCCTTAGCTATTGTTCTCG
A

>trans_s_5890 AM933229|Noronhia luteola subsp. ankaranensis plastid tRNA-Ser gene and partial
tRNA-Gly gene, specimen voucher G. Besnard 51-2006 (G)

CCTTTTAGAAATAAAGTTTTTGATCGGAATATTAATCAACCCGAAGGATCCCTTAATAAGGGATTAATAG
AACGAATCGCACTTTTACCACTAACTATATCCGCTACAATGCAATTATTGTATATAAATGGACCTTTTGTGCGAA
GACGAAAATAAGTCGTATTAATAAGTAATAAAAAGATCGGATCAGAAAATAATCATGAAAATTTGAGCGTTG
A

>trans_s_5891 HM596917|Cucumis melo subsp. melo internal transcribed spacer 1, partial
sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial
sequence

TAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGGAATCAACCACCGTAGTGTCGCGACGACGAGCATCGAGGACTCGA
ATTTAAGCCATCCGCACGACGGTGCGTACGGGAGGCCAGTGTGTGTCCCTGCCTTACAACGACCCCGCATGG
GGAGAGTTGTGGTTGTTTTAAAGCGATGCGTGACGCCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGGC
GCAACT

>trans_s_5892 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

TTAAAGAGGAAAACATTCTTCTGAGAATTATCTTATCCCATTGGAAGGATATCATCTCATAATTATCTATGACT
GTTTCTGAGAGAGATGTAGTTGTCCAGCAGGGTGGGAGGGAAGTGGGACAAATGGCCGAGACTACTGGAAG
GATTCCTCTTTGGATAATCGGTACTGTAAGTGGTATTCTTGTGATCGGTTTAGTTGGTATTTCTTTTATGGGTG
A

>trans_s_5893 AB547973|Picea morrisonicola chloroplast psaA gene for photosystem I P700
apoprotein A1, complete cds

CAGTAGTCCGCCATGTAGACAGAAACGCTGAGTGGGATGTATTTCCACGGTGCTCGTTTTTCCAATTATGAAG
CATGGCTAGGTGATCCTACTCACATTAGCCCTAGTGCCCAGGTGTGGGTGCCAATAGTGGGCCAAGAAATATT
GAATGGTGATGTAGGCGGGGGGTTTCGAGGAATACAAATAACCTCTGGGTTTTTTCAGAAACCCGCTCGGCT
CTTC

>trans_s_5894 AF040743|Gleditsia fera ribosomal protein 16 large subunit (rpl16) gene, chloroplast
gene encoding chloroplast protein, partial cds

TAATTTAGAAATATAATAAAATGGAAACGTTTCGCGGGCGAATATTTACTCTTTTTATATATGTTTTGGCCTCTAA
ACCTCAATCGGGTCAGGTCTACCTCTCATAATAAATGGATTGGTCTTGGGTTCTTCCGCCATCTACCCAATG
AATTATTAGGATTCGTTTTCAATAGAATATTATGTATTCACGGGTTCCCTCGTTCCCATCGCCTCTCGATTAA

>trans_s_5895 AF040743|Gleditsia fera ribosomal protein 16 large subunit (rpl16) gene, chloroplast gene encoding chloroplast protein, partial cds

TAATTTAGAAATATAATAAAATGGAAACGTTTCGCGGGCGAATATTTACTCTTTTTATATATGTTTTGGAAGAGC
CCAATCAATCGGGTCAGGTCTACCTCTCATAATAAATGGATTGGTCTTGGGTTCCCTCCGCCATCCTACCCAAT
GAATTATTAGGATTCGTTTTCAATAGAATATTATGTATTCACGGGTCCCTCGTCCCATCGCCTCTCGATTAA

>trans_s_5896 HM363081|Chasmanthium latifolium photosystem II CP43 chlorophyll apoprotein (psbC) gene, complete cds; chloroplast

CCCAAAGCTCATACATCTTCCAACCGAGGTTGTCGGAGGGGTCCTAATGGTTTGGACTTGAGTAGACTGAAAA
AAGACATCCAACCTTGGCAAGAACGACGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCTCCTTTAGGTTCTTTAAATTCC
GTGGGGGGCGTAGCTACCGAACGGCCGTACTGACCGATACAGAGAGGATCTTCAACCAATCCTACCTCTCATT
T

>trans_s_5897 AP009373|Draba nemorosa chloroplast DNA, complete sequence

TGCCGACCTTGACCCCTGTTATTTTGGAGTCATATCTAGTATTCAGAGTTTGCCTCCGTAAGGGCCGGGTGGTT
CGCTTTGGTTGTTGGGAGTGGTCACGACCAGCTAAAGCTAAAGTTCCATTAAAGAGCGTTTCACGGGGTAGA
ACCTCTCAGGGAATATAAGGTTTTTCATGAGGCTGATCTTGAGCCGCCATCCAAGCACTACCTCCTTTATCACT

>trans_s_5898 HQ615689|Litchi chinensis actin (ACT) mRNA, complete cds

CAAGTGTATTGGAGCTGAGAGATTCCGTTGCCCCGAAGTTCTTTTCCAGCCATCCCTCATTGGAATGGAAGCT
GCTGGAATCCACGAGACTACCTACAACCTCAATCATGAAGTGTGATGTGGATATCAGAAAAGATTTGTATGGCA
ACATTGTTCTCAGTGGTGGTCTACCATGTTCCCTGGTATCGCTGACCGTCGTCTGTTTCTCTAGTGTGAGAAC

>trans_s_5899 AF479146|Tapiscia sinensis 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GCCAAGAAGGGCTCCGGGGGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTGAGCCGCCACGTCCCGGTT
CAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTTGAAGTTCGCGCTGTCGCGCGGCAGAAAGTTTTGGGAAAAACAGAGATA
GGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTGACAGGGAACCTTTCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTG
AAT

>trans_s_5900 EU103624|Zygophyllum xanthoxylum vacuolar Na⁺/H⁺ antiporter (NHX) mRNA, complete cds

TCAACTTCGAGGGAATGCAATGATGATCACCAGTACCATCACTGTTGTCCTCTTCAGCACGATGGTGTGGAT
TATTGACCAAGCCTCTTATTAAGTGTGATACCTCAACCAAAACACACCACCAGCATGCTATCGGACCCTGGG
ACTCCAAAGTCATTCTCGGTTCCACTACTCGGAAGTGACAGGATTGAGAGCTGGATCTTGACAGTCCCCATG

>trans_s_5901 AF061515|Spinacia oleracea ferroxin-dependent glutamate synthase precursor, mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GATGCGGATTGAGACAACATTTTTCGATATACGTAAGGGTGTGGATGGTTCTCTGGAAAAAATTCTAAACAGA
CTTTGTGATGCTGCTGATGAGGCTGTTGCAATGGTTCTCAACTGCTCGTTCTATCTGATCGGTCTGAAGAGCT
TGAAGCTACTCGCCAGCAATTCCAATTCTTCTTGCTGTGTACAGTGGACGACTACGAGGCGGACCCCGTTA
G

>trans_s_5902 EU999975|Pugionium cornutum haplotype 3 tRNA-Ser (trnS) gene, partial sequence; PsbZ (psbZ) gene, complete cds; and tRNA-Gly (trnG) gene, complete sequence; chloroplast

TAAGCATACTCGGCCATCTCTCCGAAAGATAATTTCTATTTTATTTATATTCCATCCCATCGAATAGAAGATTGACATATAAGTTGCTACCATATGACAGATATGATATCTGTTTATATTCCGCACTTAGATATTCAGTATCTCTATACATATAGATATATATGATCCAGTATACCCCTTTTTGTGAAGTAAAAAAGACTAAAAATACCGGGGTGGCATG

>trans_s_5903 XM_002958627|Volvox carteri f. nagariensis NADH:ubiquinone oxidoreductase 49 kDa subunit (nuo7), mRNA

TGCCTAGTGGGATGATCAAAGCCGATGATCGTAAGCTATGTCCTCCATCACGATCTCGAATGAACTATCCATGGAATCCTTAATTCACCATTTTGAAGTTTATACAGAAGGTTTTCTGTACCAGCTTCTTCTACCTATACCGCAGTGGAAGCACCTAAAGGTGAATTTGGTGTCTTTCTGGTCAGTAATGGAAGCCCGATGAAGGTGGCACACGGGGCT

>trans_s_5904 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

TAGCACGGGTGCCATTTTGCTGGGTGAGGGGAGTGCGGAGCGGATAACCACTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCACCCCAAGATGAGTGCTCTCTATTCCGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCACAGCCGAGACAGCGATGGTTCTCTGCCCCTGCGGGGATGGAGCGACTCTCAAACTCTTAAGTTCTTCCAGTGGGCCTCTACTCGGCAAA

>trans_s_5905 AB490219|Cercidiphyllum japonicum chloroplast matK gene for maturase K, complete cds, haplotype: SW14

TAAATGCTCCATAGATAATAATAAGAAATATTTTACTGTAATACCTTGTTTTGACTGTATCGCACTATGTATCATTTGATAACCCAATAAATCCCATTATCGTATCCCCAGTTCAAATCAAATTTTTTTACCTCCTTAAATTTCTATAAAGAAAGGAGGAGAGAGAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCG

>trans_s_5906 EU373003|Gossypium hirsutum gland development related protein 10-like mRNA, partial sequence

AAGCATTGGCCATGGGAAGATGGTACCAATTCAGTGGCCATGGCAAAGAGGAGGATGAGAGCTAACTTCGAGTTTCATAAACAACAACTTGTTGTTGAATGGTGGTGCTTCATGACAGAGATATAGCCCCAGATGCACCTACTTTGGAGGAACTAATGCAAACTTCGATGAAGTGGTGGCTGTTGCTAAAGAGCTTCAGGGAACTAAAATTAAACCTCTGT

>trans_s_5907 Novel Gene

ACAGAGGGACTCTTGGATTTAAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGTCTTCCCGTCCCTGGAGGTCTACGCGTGTATCTCACTTTGAGGGCTCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGGGAAGTTGTGAGCATGTCGGAATGATCGGACGGTTGTGATCGACCCAGATCACAGATGGCGGGGTT

>trans_s_5908 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

>trans_s_5909 AB517043|Cardamine nipponica CRY1 gene for cryptochrome1, partial cds,
haplotype: G

>trans_s_5910 AF487252|Neillia uekii isolate 168 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE) genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

>trans_s_5911 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete sequence

>trans_s_5912 AY023801|Oryza sativa microsatellite MRG6126 containing (ATAA)X9, genomic sequence

>trans_s_5913 NM_001067143|Oryza sativa Japonica Group Os07g0673500 (Os07g0673500)
mRNA, complete cds

>trans_s_5914 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete sequence

ACTTGCTCATTGAATACCACAAGAAAGTAGCTCCTATCTGGGGCTTATGCACTCCACGACTTTCTTATGTTATG
GGGTCTCAAAGACTGAATTTAGCTGCTAGTTCAAAAGCCCTTTCTCTCTAATAATCAGGTCCGCTTTGAAGCTC
CAACCTATGTGGAAATTCGAATTCGATCCGTCGGATATCAAGGCTGGAGAACTTGGTGGTGAGGATGAGGA

>trans_s_5915 EU755282|Volvox carteri ribosomal protein S14 (rps14) and photosystem II reaction center protein M (psbM) genes, complete cds; chloroplast

TGCCCAATGATGGAAAATCACTATGAAATGAACGGTAGCAGATGGCTTTTTCGTCATAGCCTTTTCTTATCTCC
ACCTCCACCCCTTACCTTCTCTTCGTTCAATCTATACATCTAATCTCACACACATCACTGTTTGTAAAGGTTTTTT
ATGAACAAATTCCATTTGCTTTATACCGTGTATGATTCTATGAAAGCTATGAGATCTGAGGGCCAGAGGA

>trans_s_5916 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

ATGGTAAGCGCTCTAATCTCTGAAGGGAATTCTTCGAAGAGAAAATGGATTATGGGAGTAACAAAAAACCA
GCGGGATTGGACCGTGTAGATATATGTCTTTTTATCTGCCACATTGGGATTCAACAACAAAATGTGTCTTTATTC
CAACCACCGCGAAAGCTCCATACAGAGAACGAGCTGGTTCGCTTGAAGAGAAGAGGGGAACGTGCACTCAG
GTC

>trans_s_5917 Z46740|L.esculentum gene for 7S signal recognition particle RNA (713 bp)

CCTCCTCAAGAAAGTCCCTACAGGCCGGTGATGATTGATATTTTGCGGGTAAGCATAACAGACTATTAAATA
CTGATAGTTTACGGGGTGCCCATTCGAAGTAGAGAGTTGGGCCTTGGGCTTCGAGCGAAGGCTTGGAGTTCA
TCGCCACTAGAGATGGAGGAAACCGCGTGAGGCTGGTTTCACAGAGCAGCGTGTGGAGGGCGAGAACAGCC
ACCT

>trans_s_5918 L49152|Mesostigma viride large-subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast gene for chloroplast product

CGTGGACGCCAGTCTGCGTGGAGCCAACCTTGAAATACCACCCTTTAATGTTTGATGTTCTAACGTTGGCCCC
AATCGGGGTTGCGGACAGTGTCTGGTGGGTAGTTTGACTGGGGCGGTCTCCTCTAAAGAGTAACGGAGGA
GTACGAAGGTGCGCTCAGCGTGGTCGAAATCACGCGTAGAGTATAAAGGCAAAATATATAGTATGAATTAC
CGG

>trans_s_5919 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

ACGGCTCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTTACATATGGTGAGCTACAATAA
TGGTTAAAGAGCCTAACATAGCTAGGTTAATAGATAATTGAGCATGCCATGACGTTGTTAGGATCTCATATAG
TCCTTTATGGCCCTGGCCTGTAAATGGACCTTTACATAAAGCTCATAAGGACCACCGTTGTATAACCATTATC

>trans_s_5920 AB514116|Alopecurus aequalis AaTUA2 mRNA for alpha-tubulin, complete cds

AGCAGCTATCTGTACCTGAGATCACAAATGCAGTTTTTGAACCTTCGAGCATGATGGCTAAGTGTGATCCTAG
GCATGGAAAATACATGGCTTGTTGCTTAATGTACCGAGGAGATGTTGTACCCAAAGATGTCAATGCTGCTGTT
GCTACCATTAAGACAAAGCGCACCGTGCAGTTTGTTGACTGGTGTCCAACCTGGCTTCAAATGTGGTATCATGC
C

>trans_s_5921 XM_002328574|Populus trichocarpa type-b response regulator, mRNA

AGGGTAAATCTGAATCAAGTTGAGGGATCGATGTCTACGGCCAGTTCAGTTCTGTAAGGAAAGCTAGTGAA
GCTGTTCCCGACCAAGTTTCCAGCCGGCCTTCGTGTTTTGGTTGTGGATGATGATCCAACCTGTCTTATGATCTTG
GAGAAGATGCTTCGTATTTGCCGCTATGAAGTAACAAATTGTAATCGAGCGGAGGATGCACTCTCTCTACTC

>trans_s_5922 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

TGCAAATAATATCCAAATACCAAATTTTCCCCCTATATACCCTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGAAGATC
AAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCAATAATTCCGAATTTAACCTTTAAAAAGAGCACT
GTCATGTCCGTTTATGGGACAGATACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGAAT

>trans_s_5923 DQ911149|Cucumis sativus S-adenosylmethionine synthase-like (SAMS) mRNA,
complete sequence

TTCTCTCATTGGTGGCCCCATGGTGATGCAGGTCTTACGGACGCAAGATCATCATCGACACCTACGGTGG
TTGGGGAGCTCACCACTGTGTGCTTTCTCCGAAAGGATCCCACCAAGGTCGACAGGAGTGGTGCCTACATT
GTGAGACAGGCTGCTAAGAGCATTGTGCGCCAGTGGTAGGTGTGCAGAACACATTGTCCAACAGAGAGTGCG

>trans_s_5924 AY773090|Cucumis melo glutamine synthetase mRNA, complete cds

ACTTGAGAGGTGTAGGATAAGTGGGAGCCGAAAGGCGAAAGTGAAATACCACTACTTTTAACGTACTGGATC
CAAAACCAATTGAGGGTGAAGTGGAGCTGGATGCCACACCAATTACAGTACAAAGAGCATGAGAGAG
GAAGGAGGCTTTGAAGTCATAAAGAAGGCAATTCTGAATCTGTCTCTTCGCCACAAAGATCATATCAGTGCTT
A

>trans_s_5925 AF487258|Stephanandra tanakae isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE)
genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

CGCCCCTAAGCTGAAGGGGACCCCCATAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTG
GAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCGAGCGGCTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTA
CGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATG

>trans_s_5926 AF487258|Stephanandra tanakae isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE)
genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

CGCCCCTAAGCTGAAGGGGACCCCCATAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTG
GAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCGAGCGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTA
CGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCAAGACCTTGCCGTACAGCAGCCTTTACACAGAGACGTCTTAC

>trans_s_5927 CT029861|Poplar cDNA sequences

GAATTAGTATAATTATAAGATACCTTTTATAACAATCAATAAATAACAGGTAAACTATTAATATAACAATGAA
AATATTAAGTCGAGGTATCCATTCTATGACAACTCTCACCACCTTACCCTCTATTTTTGTGCCTTTAGTGGGCCT
AGTATTTCCGGCAATTGCAATGGCTTCTTTATTTCTTTATGTTCAAAAAAACCTCGGGGGGGGGCGC

>trans_s_5928 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

GACTTTGCGGTGCCTGTGGCAGAGTGGCCTTGCTGCCACGATCCACTGAGATTAGCCCTTCGTCGCTCCGAT
CTAGCTAAGGAATTAGGTCTCCAATTCAAACAATGATATAAGACAAGAAAAATACTTAAGAGAATGTTCTTC
GGGTTACTGTAATCTTGAAATACTACTACACAATGAATGAATATAGGCAGTAGCCTGGTTAACTCTACTG

>trans_s_5929 EF135618|Sauvagesia erecta 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGAACCCCATGCGCCAATAATATAAAGAAGCAGACGCGGGGCTGGCTCTTGCCCCGACGGCCGGGTATA
GGTCGCGCGCTTCAGCGCCATCCATTTTCGGGGCTAGTTGATAGCCGCTTGTAACACCGTGTGTCTCTTAGC
GGATTTGACTTCCATGACCACCGTCCTGCTGTCTTAATCGACCAACACCCTTTGTGGGATCTAGGTTAGCG

>trans_s_5930 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

CTGTGTGTCCACCGTCCCTGGTGTGCAACGCTGATTGCTAGCTCGCGTTCGCCTTTTACGGTACGCACGCGTT
GTCTAGCACCGCCGTTGGCCCTCTAAGCCACGCTAGCTTGGCCGCTCGCCGTGAGCATGCCATGACGTTGTTA
GGATCTCATATAGTCCTTTATGGCCCTGGCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCCGCC

>trans_s_5931 Novel Gene

CGGCCAAGGCGAACCATCAGAATCACCAATTTATGCTGAGTCAAGTGTATCTACCTATTCAAAAGGTCGAGAG
TTCAAAACCCACAACAATAATAACAACAACAACAATAGTAACAACAACAACAACAATAATAGAA
CCATTGGCGACCAAAAGGCCGAACACTGGTAGCCCTAGCGGGCTTGAGTACGACGTTGGCATGAGGAGGG

>trans_s_5932 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

AATCATTCATGATATACCAAGCCCCGAAATCGCCCAGATATTAATCGAGATCAATCGTTTATTCCCGGATGCGT
TGGTATTCCCGTTTTTTTTCATTCTAGTTATTGACTTGGGAAGGGGTGAAGAAGATTAGAAAAACAATCAAATAT
CTTTGACTAATCCCCTTCCCCCTTCTTTTTTTAGAGTTTTTAGAGAATCCCGCCACCGAAAAGAATCA

>trans_s_5933 Novel Gene

CATTTTGCCGAGTTCCTTCGACATGGTTCTCTCAAGCGCCCTAGTATACTCTACTTGTTACCTGTGTCGGTTTG
GGGTACGGTCAGTTCACCGGGAGGGCTCGGGAGGGAAAAAGAAGTTTTTCTGGAAGTTTCAACCTTGTTG
ACTATGACAAGAGTCGCGAGAGCGAACAGACTCACGACTATGGCGGTACGCTCTCTCGGGACCCCTACT

>trans_s_5934 EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta' subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

TTCACGGAATAAGTAAAATAGACTTAATAACTCATAATCCGATCTCCCTAACTAAATATTTGCAACTTGACAATT
TAAAACAGACTTTTCAAGTACTTAAATATTATTTAATGGATGAAAACGGGGGGATTTTCAATTCCGATCCATGC
AGTAACATCGTTTTCAATACATTTAATTTGAATTGGCATTTTCTGCATCATTCGTTTCGTTTTACCC

>trans_s_5935 GQ998852|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C RNA polymerase beta' subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CAATGTGATGTGATGTTTACTGTATGTTATCACACATCGCAATATACTAAGCCTTCTAATTCTTTAAGAGGTTTA
TCTAAAAGATTTCGCGATATAACTAGGAAGACGTTTTAAATACCACACATGGGTTACTGGGCATGCCAGTTTAA
TATAGCCCATTGATATCTTCGTATCCGAGAATCAACAAATTCGACTCCGCATTGTTACAAAAATTC

>trans_s_5936 DQ535872|Myrmecosicyos messorius trnL gene, partial sequence; chloroplast

TACAGCCCAAATGTGCTTCCCTGAGGGTCGGGGTTTGTGTCACGTAAAAAATAGAGATTCGAGTTGTCATTA
ATCAATATAGTATTTTCAGTACGTAATACGTTTATCTTTCATCGTTTCTGGAGTTTCGATGGAAGGATTTCCT
TTACTAACGCAACGTCGTCAACTCCATTTGTTAGAACAGCTTCCATTGAGTCTCTGCACCTACCCCTT

>trans_s_5937 EF595936|Cucumis melo isolate 2007-B29 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence;
chloroplast

CACTCTTCAAGGGTGGCTGCTTCTAGGCAAACCTCCTGGCTGTCTCTGCAGCGGGCTATTTAATATAATCCTT
AGGAAAAGTATTTTGTTCGCCGAGCTAAAAAACGATGTCGACGTCTCTAGTAAACCAAGACATTGTTTA
ATAGCTATTTTGTTCCTCAATCTCCCTTATACAAAGAAAAAATTGAAGATTTAGTTACGATTGGGC

>trans_s_5938 AY727975|Camellia sinensis 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAGGCTGTAAACAGAAAAGATAACTCTTCCCGAGGCCCCGCCGACGTCTCCGGAATCCCTTACGTTGCCGT
CAGCCGCCACGTCCCGGTTCAAGAAATTTAAACCCGATTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTGTCGCGCGGCAGAAGT
TTTGGGAAAAACAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTCCCCTCT

>trans_s_5939 NM_001112124|Zea mays LOC542588 (si946054f08), mRNA gb|AY100480.1| Zea
mays nucleosome/chromatin assembly factor group A (nfa102) mRNA, complete cds

CAACCCCCCTGTCCACCTCAAGTACCCGATGACGATGAAGATATTGATGAGGATACTGCTGAGGAGCTACAA
AATCAAATGGAGCAAGATTATGATATTGGATCAACATTCGAGACAAGATTATCCCCACGCCGTCTCATGGT
TTACAGGGGAGGCTATTCAAGATGAGGAATTTGAGGACATGGACAATGATGACAGGAGCTCCTCCCCTAA

>trans_s_5940 AF358665|Mercurialis annua ribosomal protein L32 mRNA, complete cds

GACCGCAAGATCTCTGTCAAACAACTGGCGTAGACCAAAGGGTATTGATTCTCGTGTTCAAGGAAGTTCA
AAGGATGCACTTTGATGCCAAACATTGGTTATGGTACCGACAAGAAAACCCGTCCTATCTTCCAAATGGATT
CAAGAAGTTTGTGTGCACAATGTCAAGGAGCTTGAAGTGTGATGATGCACACGCTGTGAACAGTGTCTC

>trans_s_5941 Novel Gene

CGCCTGGGGAGTAAATTTGAATTTGAAATAATCTATCTTATTAATAATTAACACTTAACCTTTGATATATACGTC
CCACTACTAATTCAAGGAAAGAGGATATTAATACAAACAAGGATCCCATCTATCTCTTAGTGAGGTAATTAA
GAATTTTTGAAAGTTTAAGTTTCGTTTTTATTTCTTTTTTTAAGGGAGCTTATTTCCGACTGCT

>trans_s_5942 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

TGTCGTACTTTCAATTTCCCACATACACACCCGCCGTCGCTCCTACCGATGTCCGTTGAATTGAGGACACCTAATA
GCTAAAGCTACTTCGCGCGAAGCTAAGTCTGTGAAGGACCCAACCATCACGGAGAGCGTTACTTCTCATCATC
GCATCGAATCGGAGCGACGAAGGGCTGAATCTCAGTGGATCGTGGCAGCAAGGCCACTCTGCCAAAG

>trans_s_5943 AF487252|Neillia uekii isolate 168 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE) genes,
complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

GGGGATTCGACTTCCCCTGGGGGTAGGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGA
ATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCGAGCGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACG
CTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACTGAGGTTG

>trans_s_5944 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)
gene, partial sequence; chloroplast

CGCACCGAAACAGTGCTTTACCCCTAGATGTCCAGTCAACTGCTGTTATCCTGACGTAGGTATGCTTCTGACCT
AGATCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAACTTCATACAC
CTTAAAGTTGTTTATAAGATAGGACGAAAGAGCTCTCAGTCTGTCAATCCTTACTATGTCTGGACCT

>trans_s_5945 NM_001053651|Oryza sativa Japonica Group Os02g0554200 (Os02g0554200)
mRNA, complete cds

AACAAGTGGTTTTCGAAATGCTGGTTTATCTGCTGGTCTCTCCAAGGAAGATAATAGAAAGTTGGTTGCACAA
GGTGAGAGGGACAAAAGTCTGAGACCATGGATCCAAGTCCACTTCATCCTCAGGCGGTTCCGGGAAGTAGTATG
GATAGAAGTAGAACAAATTGGACAATCTACTGGAGGTAACAGCAACAAAAGAACTCGGCTCACGGACTTC

>trans_s_5946 XM_002878779|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MIR domain-containing protein,
mRNA

CTCGGTCTCGATCTTGACCATGGCTCCCCGTCGTCTGCCTCTGCTGCGTCCTCCGAGGGCGTTGAGATTACTTA
CGGGTCAGTTCTAAAGCTAATGCACGAGAAAACTAAATTCCGTTTGATTCCCATGACGTGCCCTATGGTTCTG
GCAGTGGGCAACAGTCGGTCACTGGGTTTCAAATGTTGACGATTCCAATAGCTACTGGATTGTAAG

>trans_s_5947 EU637016|Brassica napus MPBQ methyltransferase (APG1) gene, complete cds

ACCCAACATTTTGGTTGTCTCGCTTCTTGCAGATGTGTGGATGCTTTTCCCAAAGGAAGAGGAGTATATTCAG
TGTTCAAAAATGCTGGATTTAAGGACGTCCAATTGAAAAGGATTGGTCCAAAATGGTACCGAGGAGTTCGT
CGCCATGGTCTAATCATGGGATGTTCTGTGACTGGTGTGAAACCATATTCTGGTGAATCTCCTTTCAG

>trans_s_5948 Novel Gene

AGGGGAAATATCATAGTAAATCAGTCGAGTTATTTATAATGCACTCCTTCGTGGAACCTTTACATAAGCTACG
CCCTTCTTCATTGACTCCTTCTAGTCGACTTTCTTGAAGTGGGAGTCGTCCGAGGTTATTCTTTATATGGAT
TTCTTTCGTTGCACTCCTGTTAAGAATAAGGAATTCGCTTCTCCCTATTACGAGTTGCAATGAG

>trans_s_5949 DQ629285|Equisetum hyemale large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast

ACTACGACAGCTAGGCATAGAGTCAAATCTGCTACGTTTTACATGTGGAATCCCGTGTGACGACTAAGGACCA
CCTTGCAAGGCTAAATACTCCTGGGTGACCGATAGTGAAGTAGTACCGTGAGGGAAGGGTGAAAAGAACCCC
CATCGGGGAGTGAAATAGAACATGAAACCGTAAGCTTCCAAGACTGTTTCTTCTCAACCCTAGAGTCACC

>trans_s_5950 EU017018|Musa acuminata RNA polymerase beta subunit (rpoC1) gene, partial cds;
chloroplast

GATGCGGATTGAGACGAGAAAAATTTTTCTATGATCGATCGGTATAAACATCAACAACTCCGAATTGGATTAG
TTTCTCCTCAACAAATAAGTGCTTGGGCCAATAAAACCCTACCGAATGGCGAGATAGTTGGAGAGGTAACAAA
ACCCTATACTTTTATTACAAAACCAATAAACCTGAAAAAGATGGATTAAAAACACCCCTCCGGGCCCC

>trans_s_5951 EU002530|Phyllanthus calycinus RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene,
partial cds; chloroplast

AAGTTTACTTTTAGTTCAAAATGATCAATATGTAGAATCAGAACAAGTGATTGCTGAGATTCGCGCGGGAACA
TACACTCTTAATTTAAAAGAGAGAGTTCGAAAACATATTTATTCTGACTCAGAGGGAGAAATGCATTGGAGTA
CCGACGTGTACCATGCACCCGAATTTACATATAGCGGCACTTGCTCTCCACCAAAAACACTGACAAAT

>trans_s_5952 DQ008658|Schisandra sphenanthera 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGAGACGGGATCGACGGAGGGGGCTC
TGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCAGTAATAAATCTTTAGTTAGAAATAGCATAATTTAACTTTG
TTGTATGTTATCACACACATTCCCCTCAATTCTATTTGAAGATTTTTTGGGTATTGTCAAACACGTG

>trans_s_5953 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

GAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCAGAGCAGACATCTCTTCGCCCTTCCTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGC
ACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGA
AGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGAAGTGCACACTACATACGTCG

>trans_s_5954 Novel Gene

AAGGAGGAGCTAGACTAGACTATAAATCTGAAGAAGCTATAGAGTCGATTACAAAAAGTACTAGTTTGAAAG
GCTCGTTGGAATTGATCCGCTACGAGATTGACATTATACGCAAGAAAAGCACCTAAAGTACTAAACAGAATAG
GTATTAGTTTGATAATGGTTGGAGCAGCAAACCTCGGATTCGGCAAGAATCTCATTTTTGGGTAGTACGA

>trans_s_5955 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AAGTACTTGGTACTACGATCATTGGAGGAACAATACCTAAACCTGAGGATACTCCAGAATCTTTTCGATTGCTC
GTTTCGAGAATTACGATCTTTGGCTTTGGAAGTGAATCATTTTCCTTGATCTGAGAAGAACTCCAGATTAATAG
GAAGGAAGCTTAATCAAAATGAATCAGAAAATTTTTCTACCTAGTTTCGGTATAAACATCCCACC

>trans_s_5956 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

TATTCAGTGGGAATGTGCCACTCGACAGAACCGTACGTGAGATTTTCACCTCATACGGCTCCTCGTTCAATTCT
TTCGAAGTCATTGGATCCTTTTCCTCGTTGAGAATCTCCTCCCTTCTCCATTCCGTCCCGAAGAGTGACCGGG
ACCAATTCAGTCACGTTTTTCATTATTGGAATCTGGGCTCTTCTACGTCATTTTAAATACTTA

>trans_s_5957 AJ849603|Salix vitellina partial trnC-petN IGS and partial petN gene for cytochrome b6/f subunit VIII

AGAATCCCAGGTAAAGAAATGTCCCACTTACCGGGGAGGTAGGAGACGGCCGTCAAGCCGTGGGACGCTTG
CCATTCTGGGCTGTATCCATTGCCTCAAATTCAAATTTGCGTCGTAGAAAGGGAGAGGGGCACGGGAGTCGTT
GCCGGAGCAGCCCAAGCGAGACTTACCATATCCATGTGAATTATGTCCCCTATCTCTATGAATAATACTT

>trans_s_5958 DQ676845|Nicotiana tabacum chloroplast pigment-binding protein CP26 (Lhcb5) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATCTAGATAAGAGTGGTATGGTCCGGACAGAAGGATTTTCTTGCCAGATGGTTTGTTGGACCGATCGGAGATC
CCCGAGTACTTGAACGGAGAAGTCCCCGGCGACTATGGTTATGACCCCTTTGGAAGTCAAGCAAGAAGCCAGAA
GACTTCAGCAAATACCAAGCATTTGAATTGATTCATGCAAGATGGGCTATGCTTGGAGCTGCTGGTTTC

>trans_s_5959 AF393582|Chaetosphaeridium globosum SAG 26.98 large subunit ribosomal RNA (rrl) gene, complete sequence; chloroplast gene for chloroplast product

ACGTGAGCTGGGTTTCAGAACGTCGTGAGACAGTTCGGTCCCTATCTGCCGTGGGCGCTGGAGAATTGAGGGG
GGCTGCTCCTAGTACGAGAGGACCGGAGTGGACGCATCACTGGTGTTTCGGGTTGTCATGCCAATGGCATTGC
CCGGTAGCTAAATGCGGAAGAGATAAGTGCTGAAAGCATCTAAACATGAAGCCCCCTCAAGGATAGTAC

>trans_s_5960 Novel Gene

CTATTATAGTATATCTTATATATTCGCCGAATACATAATGAAATTGGTTTGCAAAATCCTATAAAATAAACTAT
TATTAATAAAATAAACTATTATTAAATGAAGAAAATTGACACCTTAAATTCTTATTGAAATAAATGAAATCGG
ATAAGATTTTTATTGGAAACGCTCAAATCTCCTATTTTTTCCCTTAATGAAATTATCAAAATT

>trans_s_5961 GQ998464|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 photosystem I
P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

GTTTGGAAGGCCAACCTAACAGTTCGCCTTTTACGGTACGCACGCGTTGTCTAGCACCGCCGTTGGCCCTCT
AAGCCACGCTAGCTTGGCCGCTCGCCGTGAGCATGCCATGACGTTGTTAGGATCTCATATAGTCCTTTATGGC
CCTGGCCTGTAAATGGACCTTACAATTAGCTCATAAGGACCACCGTTGTATAACCATTTCATCAACG

>trans_s_5962 EF213076|Elaeis guineensis cultivar Tenera calmodulin-like protein mRNA, partial
cds

ACGATAGTGAAGGTTGCGGGTTCATAACTCCGAAGAATTTGAAGAAAATGCTAAGGAAATTAGGGGAAAGG
AAATCGACGGAGGAGTGTAATGATGATTCGTCGCTTCGATTTGAACGGTGACGTTTGATTAGCTTTGAGG
AGTTTCAGATCATGATGGCTTAGCCAACCTCTGTACATATATATCTTAAATTTTTCATTTAATTAATTCA

>trans_s_5963 D45857|Glycine max mRNA for Mg chelatase subunit (46 kD), complete cds

TGCCTCTTCTCTCTGACCCAGCTCATGGTAATGGGAAGAAATCTTTGGGAGTATTAGGATTCAGGGGAA
GAAGGGAAGGCCTCAGGTCAAATGCAATGTTGCGACTGAAATAAACACCGTTGAGCAGGCTGTGAATATCTC
AAAAGAGAGTCAGAGGCCAGTTTATCCTTTTGCTGCTATGACGAAATGAAGCAGAGCAGTTGATGTGA

>trans_s_5964 DQ986145|Aneura maxima from USA internal transcribed spacer 1, partial
sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial
sequence

AGGGTTATTCCATGGACGGTGAGAGACACATTGCATGGGCTGCTCTTACTCGGGTGAAGAGATGGAAGGATT
CTTAGAGAATTGGGCGAAGAATTGAAGAGGAAGAGAGATGGTTTGAATTGGAGACGGAGGAAGACCGTTC
ATCTTCGGGGAATTGATGAAAGAACACCTTCGGTAATTACCAGGAAGAAAGGATTGTCCTCAAGCTCTCT

>trans_s_5965 NM_105808|Arabidopsis thaliana AtRLP11 (Receptor Like Protein 11); protein
binding (AtRLP11) mRNA, complete cds

CTCCGCACCTTACCCTGGGCCAACCGGGTTGAATGAAGAAAAAGAATCACCATCGACCATTTTCATTCTGGTTC
TCCAACACCCAAGCTCTGTTTTGCCTTCGTAAGTATCTGCTGAAAACCTGAAGAACTCGAATGGCTATGGCTTCT
ACTGACAGACTCAGATTCATTTGAAGGCGAGGAAGAAGATGAACTCGACGACCTAAATCTTCCAA

>trans_s_5966 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

GATGAGTAATAGGTTTACCATTCAAAGGGGTAAAGTTCAGCACATCCAATGCTCTTGCAGCATCTTGTGGGTT
GCTGTAGTTGACATAGCCATAACCGAGAGATCGCCGGGTGTCAGTCTCGGCAAAACCGAACCGAACTAC
CTGGCCACCTGATTGAAAATGTCATAAAGCTGCGAATCCGTGACATTCAGGTCCAGATCTCCGACGT

>trans_s_5967 HQ444960|Cucumis sativus S-adenosyl-L-homocysteine hydrolase mRNA, complete
cds

GGTCGATCGGTCCGCCTATGGTGAGCACCGGTCGGCTCGTCCCTTCTGCCGGCGGGTTCCTCCACATGACCA
TCCAGACCGCTGTTCTCATCGAAACCTCACCGCTCTTGGCGCTGAAGTCCGTTGGTGCTCCTGCAACATTTTCT
CCTCAGGACCACGCCGCTGCTGCGATTGCTCGTGACAGTGCTGCTGTCAAGCGTCAAGGGACT

>trans_s_5968 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

ACTCGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTAGAAGGCGCTCTGTTGGGATCCTCACGG
ACAGAAAAAGATTGCAGTCGATTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCCGAACCCAGGAATCCCT
TAGATATGATACAAAATGGATCTTGTCTATCGTTGATCAGAGATTTCTCTATCAACAATACGAATC

>trans_s_5969 EU017294|Trachelium caeruleum photosystem II protein D1 (psbA) gene, partial cds; chloroplast

GCACCAGAAATAATATTTGTTCCGTAAAGTAGAGATCCAGAAACAGGTTACGAATACCATCAATATCTACTG
GAGGAGCAGCAATGAAGGCAATAATAAATACAGAAGTTGCGGTCAATAAGGTAGGGATCATCAAAACACCA
AACCATCCAATGTAAAGACGGTTTTCTAGTGCTGGTTATCCAGTTACAGAAACGACCCCATAGGCTTTCG

>trans_s_5970 FJ231521|Cucumis melo galactokinase mRNA, complete cds

ATACATATCAGGTTGGACAGATCGGGTTATATTTTAAAAGTCCTCCTTCCCTTCCCTTGGTCATCCTCCTGATGT
ATTTGCTCGTTCACCAGGGAGAGTGAACCTTGATTGGAGAGCATATTGATTATGAAGGATATTCGGTGTTGCCG
ATGGCTATTCGGCAGGATACAATCGTGGCACGGCTTCCTACGTCACGCCCTCTCCCTTAGTAGA

>trans_s_5971 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

TTTGTGGGTCGATGTGTTGTCATGGGGCATAAACATTGTGCGTGTGGGTTCGGTCTCCAAGGCCTGTTAGAG
CTCTCTTCAACCTGCTCATGGCTAGATCGATCGGTTTCGGGTCAAATAGGAAGAACGAGAATCTTCCACCTCTG
GAAAGCGCCTACACCTAATGGCTTAAGCCGCAGTTCCTATTTCTCGCTGACCCATCATGCAAAAG

>trans_s_5972 DQ060502|Nelumbo nucifera expansin 2 mRNA, partial cds

ATACGCGACGGGAACTTCTGCGAGGAAGTCTCTTACTAAAAGGAAGCAGACTATTCCTATATCTGCAAAGTT
CCGAGTAAACGTCGCACATAAATTCCTAACGATGTTGATGGACGTTCTTTTAAAGGATGTTCTCCGTTGTGGGT
GGTCTCATATTCCGTCGCCTTGAGATGATACTATCATGGCCATTGTTCCACTGACCGGTAATCT

>trans_s_5973 AJ247599|Shorea talura cox1 gene (partial), exons 1-2

AAAATCCCCCTCAGCTTTTTTTTGGAGGGGACCTAAAGTTTCAGGGTATGTCCGACCAAAGATTTTACCCACC
CAATAGTAAATCCTGCAAATAAAGCAAAACGGCTCCCATAGAAAGTACATAATGGAAATGTGCAACCACAT
AATAAGTATCATGTAGAGCAATGTCTAGCCCTGAATTTGCCAGGACTATTCCAGTGAGTCCTCCTA

>trans_s_5974 EU563238|Camellia sinensis CBF-like protein 1 mRNA, complete cds

GGATGATGGGGGAGACGACGACGCCGGAACGTTTACATGGATGAGGAGGCAGTTTTCGGAATGCCT
GGATTGTTGGAGGATATGGCTGCGGGAATGATGTTGCCTCCACCTCAGCATTTTCGTGATGACATGGATTTT
ACTCTGACGTGTCATTATTTCTATATTAAATAATCTTCTTAAATATTACATTATACATTCAATTACCT

>trans_s_5975 DQ856321|Bruguiera gymnorhiza 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAGTCGTGCGCTCCACGAGTCTATAGCCTTGGCCGACAGGCCCGGGTAATCTTTGAAATTTTCATCGTGATGGG
GATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGAGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTA
CGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATCGTGAATGGTCCAACGAAGGTGTCGGA

>trans_s_5976 L43359|Pterosperma cristatum large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast gene for chloroplast product

GTACCGAATTCAGTCAAACTTAGAATGCCAGTTACTTAACTTGGGAGTCAGACTATGGGTGATAAGGTTCA
TAGTCGAAAGGGAAACAGCCCAGACCGCCAGCTAAGGTCCCAAAGTGTGTGTTAAGTGGAAAAGGATGTGG
AGTTGCCAGACAACCAGGATGTTGGCTTAGAAGCAGCCACCAAATTTCTCACGCATTATCAGACAG

>trans_s_5977 GQ998199|Euonymus americanus voucher FLAS:W.S. Judd 8071 RNA polymerase
beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TGAGAGATATGAACAAGAGGCTTCTAGAAACTAGTCTTTTCTGAATTATATGAAGCCAGTAAGCAAACAGCG
AGTCCATGGGTATTTGAACCCGAGTATCCGGGAAAAAGCAGAATATTTGATGGAAGAACGGGAAATCCTTTT
GAACAACCTGTTATAATAGGAAAGCCTTATATCTTGAAGCCGGCCTATACGCAACTACATAACATAG

>trans_s_5978 AF017156|Cucumis melo 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGGGACAGCTACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTAAATCAACCA
CACAGTAAGAAATCATGGAACCAGATGAGGATTCCCGACCAGAAAAATCCCCCTAAACCAAATCGCTCCAGTG
TAGAAACGAATCGGCAGCGGAATTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCCCC

>trans_s_5979 XM_002304456|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB10), mRNA

GCGGTCGAGTGCTGCACCCTAGATGGCGAGAGTCCAGTAGCCGAAAGCATCACTAGCTTACGCTCTAAGGAC
AGTGTGGAAACCAAATTGGAGCTAAGTTTTGGGAAGTTGTTTGTGATGAACATGGGATTGATCCTGCTGGAA
ACTACACCGGACTGCTGCTAAGGACCAGATCTCTTTGGCCGTGGGCAGCACCGTGGATAGATAAAAAG

>trans_s_5980 XM_002313333|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR907), mRNA

TCTCGGTAAAGCTGCTGATAACCGCCCCGTGGGTGATCTCGACTGATTCAATTCATAACCTTCAGTAGTCGAGC
TACTTTCTTTGTTCCACTCCCTTCCCTATCTATAGAGCATATTTACATCCTCTCCGAGACTGATTAGTATTGGGA
TAGACTGATATTCTCTAACTCTTGATCGGCAACATCGAATTGGACCAAGGAGTCTGACAT

>trans_s_5981 HM135404|Citrus unshiu 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCTTGGTTGAAAAGCCAGTGGCGCGAAGCTACCGTGCCTGGATTATGACTGAACGCCTTAAGTCATCATGT
ACCGAACCCCGGGCTACTCTTATTATCTCCATGACGGTGATAGCCCCATTGCTCGTGCTAGATTGTCGTCGTTT
AGTGTTGCAGATTAGCCTTTTCCTTTTTCACGGCTGATCTGTGAGTTTTCAACCCGGGGTTCAT

>trans_s_5982 XM_002951707|Volvox carteri f. nagariensis ubiquitin activating E1 enzyme-like
protein (apg7), mRNA

GAAGCCATCTGCCAAACCTTGGCCGAGTCTCAGACAAAGGGGAAATCGGATCGGAGAAAGTCGAAGTCATCT
GGTCTTCAACCATTCATCGGAACCTCAGGCCCAACTGTCATCGATGCCGACGACGATTTGAAACCGGCGG
ATGCTGGATCAAGTGGGTGCGAGATCTGTTGCAAGGCAGAGAACTCCTCGTCACCGGTGGAGTCCTC

>trans_s_5983 AY133660|*Arabidopsis thaliana* At1g59710/T30E16_31 mRNA, complete cds

GATGAAGACACAGTGGAGGGTCTTCTTTACATTTAAAGGAAATGGGGTGGAGGAAGTACTCGTAAATTG
AAGGAAGAAACAGGAATTGATGGTATCATTGTGTGTACTCGAAATCCATTGAATGGGAATCTTTATCCCCTTC
GCTTGCAACTTCCTCCCAACAATGCAATCATGCACACGGTTGCTGTTCCCGAGACATAACAATTGGG

>trans_s_5984 FN563079|*Picocystis salinarum* plastid partial 23S rRNA gene, strain CCMP 1897

ACAGCTTCGGGCATAATGGGTGACGGCGTACCTTTGTAGAATGGACCGGCGAGTTACGATCCCATGCAAGG
TTAAGTGGAAAGACACGGAGCCGCGAGCGAAAGCGAGTCTGAATAGGGCGAATATAGTATGTGGTCGTAGACC
CGAAACCGTGTGATCTACCCATGTCCAGGGTGAAGGTCAGGTAACACTGACACCTCCGGGCTTGGGTGT

>trans_s_5985 X80470|*T.durum* mitochondria atpA and atp9 mRNA

AAATGAGAACTTTGAAGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTCTAAGTCGTATAAAACCAGAATTACAACAATCCCTT
TTAGGTGGGTAACTCCAGAAATCAAGATAGAACTTGATGCATTCTTAAATGAGAGCGCTTTTCCTTCTTTC
ATAAAGAAAGAAATCAAACCTCAAATTTCTGACTGTGAAAGCCCTAGTACAAAACACCCTAAGAA

>trans_s_5986 EU379346|*Solanum lycopersicum* thiamine biosynthesis protein ThiC (thiC) gene,
complete cds, alternatively spliced

CCTTCGACCGGTGCGTGGGCACACCTCCAATCCCTCTCACGCTAGTTTCAGGGGGATCAAAGGTTAAAGTGGC
TCTAGGAGCTAAGGTAATTGATGAAGGGTGTAAAGTCCTTGCATGCACTGGCAACACGCCCCAACACGTCAAAC
CCAGGCAAGAAGGCAGTATTAAGTGATTTCGTAGGAGAGGAACGGTTCACACTCTTACCAACAGC

>trans_s_5987 GU984020|*Cucumis sativus* WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

GGTCAGGGACAAACAAGAGGAGTTGACAGTAACCTTCTCTCGACATCCATATAATTCCTCTCCTTCGGAGGT
TCACCGGAGAATCTGAGAAATGCGCTCGCAGAGCGATTATTAGTATCAACAGAATCCAACAACCAAGAGGAG
AAAGCAGCCATAGGCAGTGAAAAGCCAAGTGAGAAAACAAGAAAAGATATTCGTCGGCCGTTTGGT

>trans_s_5988 DQ125945|*Populus tremula* x *Populus alba* glutamate decarboxylase mRNA,
complete cds

AATCGGGGATTGGGTGATTCTGAAACGGCAGTGGGAGTTGGAACAGTGGGATCGTCAGAGGCCATAATGTT
GGCTGGTTTGGCTTTCAAGAGAAAATGGCAGAACAGAAGGAAGGCTGAAGGCAAGCCCTATGACAAGCCCA
ACATTGTCACTGGTGCTAATGTCCAGGTATGCTGGGAGAAATTTGCAAGTAAAGTCTCCATCTCGTCTG

>trans_s_5989 EF207456|*Ribes americanum* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCCAAAACTCGCAGACATCTCTTCGAGGAGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAG
CACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGA
AGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGAACACGTGTGATGTATGC

>trans_s_5990 L42984|*Ankistrodesmus stipitatus* chloroplast large-subunit ribosomal RNA (rrnL),
site-specific DNA endonuclease I-AstI gene

GAGATAGCTGGTTCTCTCCGAAATAGCTTTAGGGCTAGCCTCAGAATAGAAAGTCATGGAGGTAGAGCACTG
ATTGGACGAGGGGGCCCTATCGGGTTACCGAATTCAGTCAAACCTCCGAATGCCATAGACTTTGTTCTGGGAGT
CAGACTGTGGGTGATAAGGTTCATAGTCGAGAGGGAAACAGCCCAGGTCGCCAGCTTTAACCCCC

>trans_s_5991 GQ997472|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333 envelope membrane protein (cemA) gene, complete cds; chloroplast

GAGGGCCTGAACTTCCTCGAACTATAAGAAAAGCTGTGTCAAGAATGACTGGAAAAGTGGAACAAGACCGG
ATATAATTTGATCGTTATGAGAAAATCCAAAATCTTTGTAGACAGAACCAATCATTAGTTCCCAACCATGGGGT
GAATGGAATCCTATACATAAATCAGTTAATAAAAGAATAGAAAAAGCTTTGGTATGATCGCACCC

>trans_s_5992 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGTTCCTTCGGAAATGGTAAGATCTTTGGCACAAGAAGAAGGGGTTGATCCATATCATCTTGACTGGGTTCTG
ATTTCTCTATTTTTTAATAATACCGAGTTGGGTTCTTTCTACCCGTATCGAATAGAACATGCTGAGCCAAAT
CTTCTTCATGTAAACCTGCTTTATTTAGCGATTTCCCCGCGCGGGGTTTTAGAAAAATACAT

>trans_s_5993 GQ294572|Ricinus communis retrotransposon RC-Galadriel, complete sequence

ACTGGAGCACCATAGGGGGCCTTTGACGGTTGTATATATCCGGCATCGAGGAGTTCTTTCAACTGTCTTCGCA
ACTCCTCAAGTTCTGGTGGGGCCATCCGATAAGGAGCCATGGCAGGTGGTTTAGCTCCTGGCTCTAGTTTCGAT
TTCGTGATCTACTTCCCTTCTTGGGGGAAGTTTCTTTGGCAGCTCTGAAGGCATTATGTCCTTGT

>trans_s_5994 GQ998220|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 acetyl-CoA carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

GACAGTCTCTTCTTATCAAAGAAAGACAGGATTAAGTACTGAGGCTATTCAAACAGGCACAGGTAAATTAATGAT
ATTCCAGTAGCAATTGGGGTTATGGATTTTCAGTTTATAGGGGGTAGTATGGGATCCGTAGTAGGAGAGAGAAA
ATCACCCGTTTGATCGAGTATGCTACCAATCAATTTTTACCTCTATTTTAGAACACAATTCAA

>trans_s_5995 XM_002306258|Populus trichocarpa histone H3 (HTR907), mRNA

GCTCAGTACTCTTCTGATACTTACGGATTTACGAAGAGCAACAGTTCCAGGACGGTATCTGTGTGGCTTCTTC
ACTCCTCCTGTGGTTGGGGCGGACTTACGAGCAGCAGGGGTAGCCAACTGTTTCTTGGAGCCTTCCCTCCAG
TGGATTTACGGGCAGTTTGCTTGGTACGAGCCATCTGATGTCGCTTCGGCGGTTCTTCTCTCT

>trans_s_5996 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GGCGAGCGGGATCCACTTTTTGGGGAATATGGGTGCAAGCAATAACAAGAATATTTGTAGTGGAACATCTTTC
AAAATCCCTGGAGAGATAGTTCACTAATAGACCAAGGGATAAGTAATTCGACTCAGTCACATACAGATTATGA
ATGTTTGAATCCATATTATGCAAGGAGACATTGCTTTTGCTAATTGCAATTGAACCCACTATA

>trans_s_5997 FN995990|Brassica napus REF1_I gene for coniferaldehyde/sinapaldehyde dehydrogenase

CGTAGAGGAACCACACCAATCCATCCTCATTCCTTTAAGCTTTTGAGGTGATTCCTTCTTGTTATTGATTTTCG
CCTGACGACACTTCCTTCTACGATATCTCCTTAACAAAAAAGAAAAATAAAGGAGAAGAAATAGAGGGAAG
ACGAAGGGAATTTCAATTGTTTGAAGTGATTTCTTCTGGGCCTAAACGTTTTAGGATTCACC

>trans_s_5998 AF017159|Hemsleya heterosperma 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGTTAAACAAAGTGTTCTCAGAATGTATCTACCTTGTCACCGAAACATCCCACTGTTCCAAGAAGAGGAAGG
AGGAGATTTCGGAGCTAAAGGGAGAAATACACATAGAAGTTATATGCATACAGACCTTCCGTATCGCCTAACG
ATGAGCACCGCAAAGTGATATGCGCTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGA

>trans_s_5999 AY133610|Arabidopsis thaliana At1g54080/F15I1_16 mRNA, complete cds

CATCATTTCCAGGAGTATCTTCCTGAGAGGCAGAAAAGGGGATGTCACTATTCCTATATCTGCAAAGTTCCG
AGTACACGTCGCACATAAATTCCTAACGATGTTGATGGACGTTCTTTTAAGGATGTTCTCCGTTGTGGGTGGT
CTCATATTCGCTCGCCTTGTGGAGCAGCGTCGCTGCAATTGCCACCTTGTCAGTGAAATGAGA

>trans_s_6000 AF487258|Stephanandra tanakae isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE)
genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

GGATCAGGAAAAGTGGGGGTAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGAATTG
ATTCTTTTGAAGTAGCATTTAGATAACTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGT
TCAAATCCAGCTCGGCCACCAAGCCTTGCCGTACAGCAGCCTTTACACAGAGACGTCTTGGT

>trans_s_6001 M72889|Solanum tuberosum U2 small nuclear RNA, complete CDS

GTCCCGGGTAGTGTTATCGCTTGCTATTGGGGCTTTCGAGCGTCGCCCTTGC GTTGCCTACTGCTTGGGCCTG
GCGCACCCCTCTTTCGTTTTCATTTTGTGGCTTGTTCCTGTTCCGTTTGGGTGCTCTTTTTTGACCGATTACC
GATGGGTTTCGTGTTCCGATCAATGTTACCGATGATTGGGGGTTAATTTGGGGGGGGGG

>trans_s_6002 Novel Gene

AATGAACAAGGTTGTGAGAAGCAACCTTCGCGTCAGGCTTGGAGATGTTGTTTCCGTGCATCAATGTGCTGAT
GTTAAGTATGGAAAGCGGGTACACATTCTCCAGTAGATGATACTATTGAAGGTGTACCGGGAATCTTTTGG
ATGCATACTTGAAACCATATTTCTTGGAAGCCTATCGCCAGTGAGGAAGGGTGATCTCTTCCT

>trans_s_6003 X57163|T.aestivum nad4 mRNA for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

CCGATTTCTCCATAAATTCTCCGATCTAAATGGCAGAGAAGTTTTCATATTTATACCTTTTCTTGTTGGAGTTG
TTTGATGGGTGTTTACCCCAAAGTGTTCTGGACTACATGCATACATCCGTAAGTAACTTAGTGCAACATGGC
AAATTTCAATTGAGAGGAATCAGTAAAGAAAAGAAAAGGGTAGGGAATACGGTAGCTGTTT

>trans_s_6004 XM_002307566|Populus trichocarpa homocysteine s-methyltransferase (HMT5),
mRNA

AAACGTTGGTCCATCAAAAACAATTCCAAATGAACCATCTGCTCAGATAGATACTAACTGGCAAGTAAAGAA
TGCTTGGTACCTGAGACAGTATCCATGCCGATATCTTCTCAAAGGAAGTCTCGCCACAGAAAACATTTAACA
GAATATTATTCAAAGTCAAGTCCAGCTCATTTAAATGGATGTAATGGGTACGTACAAACAG

>trans_s_6005 EF207456|Ribes americanum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TTACGAGCCTGCTGCCTAAACAAAACAGATGAGTGCTCTCCTCGAAGATCCTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCA
CAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAA
GGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGAACACGTGTGATGTATGCA

>trans_s_6006 AF466149|Medicago truncatula type IIB calcium ATPase (MCA3) mRNA, complete
cds

GAGACATTGTTTCATCTATCCATTGGAGATCAGGTTCCCGCTGATGGGGTTTTTCATATCAGGATATAGTCTACTA
ATTGATGAATCCAGCTTATCAGGTGAGAGTGAACCAAGATGAGGAGAAACATTTCTTCTATCAG
GAACCAAAGTGCAAGATGGATCTGGAAAGATGATGGTAACAACAGTTGGTATGAAAACCTGAA

>trans_s_6007 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCAACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGCCAAAGGTGTAGTTCCCCACCCA
GGAGCCACTTTACCATATTCCGAATTCAATGGTTTCAATAAATCCCCTACAACAGTTCGTCTTGCCCCAGATCTA
GAACTATCGTCAACGGTTTGTGTAGCCATAAATAATCCTATATTTTTTGGTAGGGGGGATC

>trans_s_6008 AY027522|Solanum tuberosum starch associated protein R1 mRNA, complete cds

ACAAAAAATTCTAGCAAGACGAAGGTTTATTTGGCTACAGATTTACAGCAACCTGTTACTCTTCACTGGGGTTT
GTCTAGAACAAATGCTGGCGAGTGGATGACACCACCTCCTGATGTACTTCCACCAGGTTTCAGTTTCATTGAGC
CAGGCAGCTGAAACACAATTCATATTCAATGATGATGGTTCCACCCTAAAGGTCCAATATCT

>trans_s_6009 GQ997633|Nerium oleander voucher FLAS:W.S. Judd 8076 ATP synthase CF1 epsilon
subunit protein (atpE) gene, complete cds; chloroplast

AATCGCGGAAGCCAACTTGAGGAAAGCTCAGGGCAAGAGACAAACAATCGAGGCAAAAAATCCTCTCAGAC
GAGCTAGGACACGAGTAGAGGCTATCAATGGCGTACCTAGTTAATGCGTCTAAATATATTTTTGTCCCGGAAAT
TTTCATGGAAAAAGAATTACAATTAATAAATGAAATAAATATAGAGTCGGATGGAAAAGGTGCGC

>trans_s_6010 AM889951|Begonia plagioneura chloroplast partial rpoC2 gene for RNA polymerase
beta subunit

TAACTTTCAAACCAACCAATATCTATTCGGACTCCCTTTACTTGTAGGAGTACATCTTGGATCTGCCGATTAT
GTTATGGACGAAGTCCTACTCACGGGGACCTGGTAGAATTGGGAGAAGCCGTAGGTATTATTGCGGGTCAAT
CTATTGGAGAACCGGGTACTCAACTAACATTAAGAACTTTTCATACCTTATTCTGCGGACAC

>trans_s_6011 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

ATGGCCTTTGCTGCCACGATCCACTGAGATTCAGCCCTTCGTCGCTCCGATCTAGCTAAGGTTAATCTGATCCT
AAGGGGATACGATATTTTCATGGCATTGGAGGCGTTAACTGCTCATAGATTGAATTGCTTATGCTCTTCAGACT
TGCTGAGATTTCTTTGAAGCTGGTCTAGTAAGCCTAAGTACATTTTTTTTAGGGTAAGGG

>trans_s_6012 CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

TAAAACAAAGCATTGCGATGGTCCCGTAAGGCAATAAATTAGAGTCTCTGATGCGCTTCTAATCTTTCCGTAGC
GTTTTAGATAGTCGTACCATAGTGCTAGCTCCAGAGAGGAGAGCCTCAATCGGGTAGGAAGGCCGTCT
GGGCGTATGGGCTATCCCTCTATCGGGGCCCTAACCGTATTAGAGGCATCGGGGGCGCAAATA

>trans_s_6013 NM_001124071|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT1G63770)
mRNA, complete cds

ATGGATCTTTACTTTAAGAGACATGATGGTCAGGCTGTTACCTGTGAAGATTTCTTCGCCGCAATGCGAGATG
CAAATCATGCTGATTTTGCTAACTTCTTATTATGGTACTCTCAAGCTGGGACCCCTCAAGTCAAAGTTAAATCAT
CTTACAATTCCGATAGTCAAACATATACTTTAAAGTTCTGGTATATAATTCGTTCTTGCC

>trans_s_6014 XM_002887814|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADP-malic enzyme 4 (ATNADP-
ME4), mRNA

ACTAGCCTTCGAATATGGTGGTTCCTCGGAGCTGAAATGAGCCCAGCAAGTACCACCGAAGCTGTCCCCTGAAT
GTCATCATTAAAGACTAGATGTGTTGGGCCGTATTTTGCTAGCAAGTCAAATGCATTATGGTCTCCTCTCCTCT
CAGCTATCCTGAGGGAACTTCGGAGGGAACAGCTACTAGACGGTTCGATTAGTCTTTTCGC

>trans_s_6015 AM087200|*Solanum lycopersicum* complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGTTGCCAAAGGTGTAGTTCCCCACCCA
GGAGCCACTTTACCATATTCCGAATTCAATGGTTTCAATAAATCCCCTACAACAGTTCGTCTTGGCCCAGATCTA
GAACTATCGTCAACGGTTTGTGTAGCCATAAATAATCCTATATTTTTTGGTAGGGGGGATC

>trans_s_6016 AJ586738|*Solanum tuberosum* gluB8-1-3 gene for 1,3-beta-glucan glucanohydrolase

CAAAGTCGCTTGACAATATTCTTTGAGCGTCTCATTGATAAGGACATATTAACCTGTGGATAAACAAGGGTCC
AGTTGACCTCGATCATTCTTTCTCAACTCCTACGGAGCGTCCGAACGTCTTTCATTTGAGCCCTCAGTCCTCTT
CAATCTACCATATGAACTTTTTATTGCCTCCGTCTTTAGGCGGAAAGGGGGATACCCCC

>trans_s_6017 EU016768|*Anethum graveolens* NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 1
(ndhA) gene, partial cds; chloroplast

CAGTTCAGTATATGCTGGTCCTTTGGGAGTCTTCAAGCTTTAGCAGATGGTACAAAACACTTTTTAAAGAAA
ATCTGCTTCCATCTAGAGGTGATACTCGCTTATTCAGTATGGGACCATCCATAGCAGTCATATCATATTTACGCC
TATATTTAGTAATTCCTTTTGGTTATCGCCTGTTTTAGCCGATCTACCTATCGGTGTT

>trans_s_6018 AY968404|*Coccinia sessilifolia* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGAGATTTGATCTGTCTTTCTAAATACCCTCGACGTCCGAATTGTAGTCTGGAGAAGCGTCCTCAGCGGCGG
ACCGGGCACAAGTCCCCTGGAAGGGGGCGCCCGAGAGGGTGAGAGCCCCGTTGCGCTCGGACCCTGTGCGCA
CCACGAGGCGCTGTCAACGAGTCGGGTTGTTTGGGAATGCAGCCCCACGATTGCGGTGTAAAG

>trans_s_6019 Novel Gene

CGTCGTCGTCAAGTAGTCCCCGCGAAGCTTTCGGGAAGAGGGGTAGTCTTGTGTGTAAGCATAGCATTCTGG
TCGAACCCGCCCCAACCAAGATCGAAGAACCGAACCTGACAGACACATCTTTTCTTTTGGGAGGGTACGGA
GAGTAGTGGGTACCTCGTCAGACCTCGTGGGCGGATGAGCCCAGAACATACTTATACACTTC

>trans_s_6020 AJ428413|*Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

GACTTGCCCAATTTACCAGTGGATACAGATTCCACGCGTTACGCACCCGTTGCCCACTTTGTTCTCAACTCTTC
CCACCTTGAAAGGCGAGACAAAGCTGGTCTAAGAGGGGAAGGAGTAAGCTAAACACCACTTCCCGTCCGACT
TGCATGTGTTAAGCATGCCGCCAGCGTTCATCCTGAGCCAAGCTAGGTCTCTCATGAGAT

>trans_s_6021 AB240139|*Nicotiana tomentosiformis* chloroplast DNA, complete sequence

AAAAGCAAGAGGAAAAACCCGATCAGTAAGCTTATTCCTATCATTAATAAAGTATGACATTTTTGGCTCTTCTTG
AACGAATTTGATGATCTTCCGGCATATCTTCGTCGTTTTCTTGGATCAGTTGGTCTGTCTCCGTGATTACGGGT
GCGTCAACTATCTTCCAGGGGGCAGGCGGGAGGGGCGGTACCGATCTGGGGACAACAG

>trans_s_6022 AB480043|*Cedrus deodara* chloroplast DNA, complete sequence

GTACGTCGCTGAGGCATCTACACTCAATTGCTCAGGTCCAGAGTGGTTGTCAGACTGAAAATTCAAGCTCAA
CAGACCGGATTGCAGAGTAATTTCTCTTTCTTCCTTGAATGAGTGAAACGTCTTTGCATGTCGACTACCCCGC
TGAAGTGAAGCCAAATCCATCCCGAAGTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACAGCGTGT

>trans_s_6023 NM_103496|Arabidopsis thaliana emb1075 (embryo defective 1075); carboxy-
lyase/ catalytic/ pyridoxal phosphate binding (emb1075) mRNA, complete cds

CGGGAATCTCATTATTCCGTGTTCAAAGCTGCTAGAATGTATAGAATGGACTGTGTGAAGGTTGGTACTCTGA
TATCTGGTGAGATTGATTGTGCGGACCTTAGAGTTAAGTTGCTTGCTAACAAAGACAAACCAGCTATACTCAA
TGTTAATATTGGAACACGGTGAAGGGAGCTGTTGATGATCTTGATCTAGCTCGCCGAAAC

>trans_s_6024 X66325|S.alba 18S, 5.8S & 25S rRNA genes

TTAAACTCAGCGGGTAGTCCCGCCTGACCTGGGGTCGCGTCGAGAGGACTCCCCCGGAAAAGGCTAATCTG
CAACACTAAACGACGACAATCTAGCACGAGCAATGGGGCTATCACCGTCATGGAGATAATAAGAGTAGCCCG
GGGTGCATCGTGCATAGAATAAATCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCC

>trans_s_6025 XM_002301806|Populus trichocarpa multidrug resistance protein ABC transporter
family, mRNA

AGTCGGTGGTGGGTTGTTGCTTCTACTGGTGAAGTCTCTCAGATTTTAATGATGGATGTTTCATGTTTCCGAAG
CATAAATTGATTTGAAATCTGCCAGTATTAACAGCTCCGTGTAAATTTATCTTGCACTCAGCTACCTGTCTCCT
GGTACATTCAACGACTCTCGGCAACGGATTAGAGCCGAGAGCGTAGCTACTTCTTGCA

>trans_s_6026 X55076|B.vulgaris mitDNA for ATPase subunit 6

CCCGCTTTAGGGGCCAACAGAAGTAGGACCAAAGTGAAGTGAAGCAGCATAAACAAAGATGAATTTGTGAAT
GAGAAATAAAAGTTTCTATATGCACGAAGATCAATGGGAGAATGGCAAATTGCTCAAGTGGGCTGTTGGGC
GTCAGAGTCAGAAACACTTTGAATTTATCCCTGTAGTTCCGCTTCCCCTGGAGGGGGCGAAG

>trans_s_6027 Novel Gene

AGAGAGCGCGAGGAAGTGTCTTTCTAAATGTCCGAATCTATCTAGGAGAGGAACGAAAGGAAAAAGCGTTC
GACTCCCTCAAACGGATTGCGGCGACGAATAATATTATAATCCGATCAATTGATATAAGCCTTTGTCTGAACCA
AACGGTGTGGAAAAATAATTAGCACCTTCTGGTTATTCGAAAGGCTATGCAGAAACCAAGT

>trans_s_6028 GQ997559|Nelumbo nucifera voucher FLAS:S.B. Davis 1076 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

GTGGGAGAAGGGGCGTGAGACCATCCGACACATGCTCTCGCGGTGCGCGCACACGCTCTGGCCGTTGCGGG
ACGCCAGCCGTGATTGAGCAGCAGCTCGTAGACCACCTAAGAAGGAATATTTATTATTGGATCCATATCCTGA
CATAAGAAGTCCGATGGGAGCAACACTTGAAATGGCAATCCATATTTACTTCGACCAACTTGC

>trans_s_6029 Novel Gene

CTGTGAAAGAAAGGTGAAAAGAACCCTATTTAGGGAGTGCCCGAGAGAACCTGAGATCCGATGCTTTCAATC
AGTCGAAGGAGCGGCAAGGGAAGTGAAGTCTAAGAGAATCTCAAGCTATCTCACTCTAACGGCGTACCTTTTG
CATGATGGGTGAGCGAGAAAAATGGGAACACGCCCTTAAATTGGGCTTGGGCTTATAGGGAAC

>trans_s_6030 DQ629226|Pellia epiphylla large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast

AAAAAGCTTCATCCTGGTCATGGATAGATCACCCAGGTTCTGGGTCCATAAGCAGTGACAATTGCCCCATGTCTG
ACATGCAAAGACGTTTCACTCATTCAAGGAAGAAAGAGGAAATTACTCTGCAATCCGGTCTGTTGAGCTTGAA
TTTACTGAGTGAAAACAGCTGGACCTGAGCAATTGAGTGGCTTCGTAAGACTCGACGTAC

>trans_s_6031 U42508|Berzelia lanuginosa 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGTGGTTAATTCCGTTAACGAACGAGACCTCAGCCTGCTAACTAGAGCGTCGGAGGTACCCCTCCGCGGCCAG
CTTCTTAGAGGGACTATGGCCGGAGGCCTCAAGGAAGTTTGAGGCAATAACAGGTCTGTGATGCCCTTAGAT
GTTCTGGGCCGACGCGCGCTACACTGATGTATTCAACGAGTCTATAGCCTTGCGGGCTGT

>trans_s_6032 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

GGGATACCTATCCAGAAGTTTTCGCAACTCAATCATGTATGATGGAATCATCAAAGATTGACCTTTTCGAACT
CTGTCTGTAACACTACTATAGGCTCGAGAAACAAAGAGAAGATGTGTACGAACGAGATATACAGCAATAAGAA
GAAGGAAAAGGATTGAATAGAGGAACTCCCGAACATTTGGCCATCTCAGATGTGTCGATA

>trans_s_6033 AB268090|Wetria insignis gene for 18S ribosomal RNA, partial sequence

TAGACTCGTTGAATACATCAGTGTAGCGCGCGTGCGGCCCAGAACATCTAAGGGCATCACAGACCTGTTATTG
CCTCAAACCTTCCTTGACGAAGAGCCGGATAGTCCCTCTAAGAAGCTGGCCGCGGAGGGGTACCTCCGACGCTC
TAGTTAGCAGGCTGAGGTCTCGTTCGTTAACGGAATTAACCAGACAAATCGCTCCACAAA

>trans_s_6034 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

GACGGTCGCAGCAGCTTCTATTGAATCATTATGGCAAGGAAAAGTTTAATTGAGAGGGAGAAGAAGAGGCCA
AAAATTGGAACAAAATATCATTTGATTGTCGATCCTTAAACAAGAAATAAGCAAAGTTCCATCGTTGAGT
GAGAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCTACCGCGTTTATCACGTGGGTGTGCAGA

>trans_s_6035 EU002429|Liquidambar styraciflua photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein
(psbB), photosystem II protein T (psbT), photosystem II protein N (psbN), and photosystem II
phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

GACAATAATACATAGGAATATCGCAAATAAACCCATCGCGACACCCATTAAAGGTGTAGTTCCCCACCCAGGA
GCCACTTTACCATATTCCGAATTCAATGGTTTCAATAAATCCCCTACAACAGTTCGTCTTGGCCCAGATCTAGAA
CTATCGTCAACGGTTTGTGTAGCCATAAATAATCCTATATTTTTTGGTAGGGGGGATC

>trans_s_6036 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

TTCATCTTGACCTTTCCGTAGGGTCCCTGTTATTGGGTAGCCATACACTTCACATGTTTCTAGCGATTACATG
GCATCATCAAATGATACAAGTCTTGATAAGAATCTACAACGCACTAGAACGCCCTTGTTGACGATCCTTTACT
CCGACAGCATCTAGGGTTCCTCGAACAATGTGATATCTCACACCGGGTAAATCCTTA

>trans_s_6037 AP009368|Olimarabidopsis pumila chloroplast DNA, complete sequence

GCGTCAGCAGTTACGGATCAACCAGGTAAC TAATTCAACAATGTTACTGACCACAATGTATCAAATCAAATAA
CAATGCTATGATAATAAGGTTGCCAATCTGGAAATACCTAAGAAATAGGATCCGGGGTGTGGTACGGAAACG
AAAAGACTGGAAAGAATGCACAAGAGATGAAAATCCCCCTACCGATCAATGATAGATGAAT

>trans_s_6038 HM998753 | *Rosa roxburghii* GDP-L-galactose guanylyltransferase mRNA, complete cds

TGAATACAGACAGGAACCAAGTGCTTGTCTCAGCATAACACTGTGGGAGAAGAAAGATCCGTTGCCACACA
ATCAGCAATTAAGACATTGTATGGAATGTTGTTTTCTGAAGGCATATGCAGGCATCAGACACCGAGTTGGAT
AGAGATTGCAGAGTATTTCCGCCCTCAAAGATGAGCCCTCGAACAGGATATTTTAGTAGCT

>trans_s_6039 Novel Gene

GAGGGATCCCTGTCTCATTGATAAGGACATATTAGCTTTCTGGCTTTCTTTGAAGAATGTAGATGTAGAAAAG
ATGGAACTCAAAGAATAGGTTGAATGAGCAACAAGAATCTCCAGACTGAGTACGGTTATTCGCTCCAACTAC
AATCAAACCTCAATAAAACAATAATCAAACCTCCAAAAAATTAGGGAAGTCTACCCCG

>trans_s_6040 GU248529 | *Cucumis sativus* cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

TTGGTTGCTTCTATTTCTTATTATTTGGGTTAATTAATTTCTCCTTTCTTTCTCTCCTTTGGTGTTGGTGGAAG
ATGATGAGAGAAAAGTTCTACTTGTAATGCCTTTGCTTTCTACTTCCTCTCATGGAGACAATTTCAATGTATTAT
ATTCTCCTTTGAGTTATTGTAATAAATCACATTTTACTCTCTCCCTTTGGGGAA

>trans_s_6041 AY323418 | *Actinidia deliciosa* cultivar Tomuri PSII D1 protein (psbA) gene, complete
cds; chloroplast gene for chloroplast product

CGAAGCCATTCGGCGGCTCCCTATTCAGTGCTATGCATGGTTCCTTGGAACCTTCTAGTTTGATCAGGGAAACC
ACAGAAAATGAATCTGCTAATGAAGTTACAGATTCGGTCAAGAGGAAGAACTTATAATATCGTAGCTGCTC
ATGGTTATTTTGCCGATTGATCTCGGGAAAAGAATAAGACCACAGGATCCCGTAGAGG

>trans_s_6042 EF141036 | *Dendrobium* cv. 'Sonia' S-adenosylmethionine synthetase mRNA, partial
cds

GGCACAACCGTTGGTGGCGAGGACATGGCTAAGAGGCATCAATTCAGGGGTTTCATCACACCGCGCTAAAAA
CATGTGCCCTTGGTCAACGCGCCAATCTCCTCAGGGCGCTTTGTGAAGTGGCCGTGAACACCCTGAGCAATA
TCTGGGCTCTGCTGCTCAATGTTAACCAGGACCTTGCAAGTTGTCAGCATCAAGACCGACAT

>trans_s_6043 EU330214 | *Dolichomastix tenuilepis* strain WitsDolicho 18S ribosomal RNA gene,
partial sequence

CAATTACCCAATCCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCCCGCCACATACCAAATCAGGATGACTCAACGGCC
AAGGCAGACGTGGCTCGGGCTTCCGGTAGAAGCTGGCTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCAGCCGCGGTA
ATTCCAGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGACCTTG

>trans_s_6044 NM_001062710 | *Oryza sativa* Japonica Group Os05g0539700 (Os05g0539700)
mRNA, complete cds

CCAAAGGCTTCAAGCTGGAGTTCTATTTTGAACTAATCCCTTCTTTAAAAATTCCGTCTTAACAAAGACATATC
ATATGATCGATGAAGATGAACCAATTCTTGAGAAAGCAATTGGAAGTGAAGATTGAATGGTTTCCAGGGGAAGT
GCCTTACTCAGAACTTCTGAAGAAGAAGCCTAGAGGAAAGCTAGAGAATGCTAAGCC

>trans_s_6045 AC004708|CIC5B11.1 check: 4870 from: 1 to: 167234, complete sequence

AGGAACCGTTGTGTAGAGTGGAATGTATCTACCTTGTCACCGAAACATCCCACTGTTCCAAGACTCTTCCTTCT
TCTCGGATTCTAGCCCTTTCTCCCGCACACGCTCCTGGCGGTACGCACTCAAGGAATGTTGGGGGGGGGGTG
AAACTCCCTCAGAGCCAATCCTTTTCCCGAGGTTACGGATCCATTTTGCCGACTTCCC

>trans_s_6046 GQ998302|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

TGGGAAAAAGATCCCAAAAGTGGGAGAAGTTTATGTCTCAACGAATCACACGTAGAGATATTGATAATACAC
ATAGAGTTCCGTTGCGGGACGCCAGCCGTGATTGAGCAGCAGCTCGTAGACCACCTAAGAAGGAATATTTATT
ATTGGATCCATATCCTGACATAAGAAGTCCGATGGGAGCAACACTTGAAATGGCAATCCA

>trans_s_6047 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA
(rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence;
chloroplast

CGCGAATGGTTTAGAGACTACCACGCTTGTTATGATCTAGCGGGGTCCGCAGGACCTCCCCTACAGTATCGTC
ACCGCAGTAGAGTTTAACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATAT
TCCCTTCCCCCTCTCCTTCCGTACTCTCTTTTCGTATAACCGATCACTAACACTCCGG

>trans_s_6048 X56233|P.deltoides mRNA for malic enzyme

ACTAGCCTTCGAATATGGTGGTTCCTCGGAGCTGAAATGAGCCCAGCAAGTACCACCGAAGCTGTCCCCTGAAT
GTCATCATTAAAGACTAGATGTGTTGGGCCGTATTTTGCTAGCAAGTCAAATGCATTATGGTTTGCAAAGTCTT
CGAACTGAATGAGGAAAACCTCAGAGGGAACCAGCTACTAGACGGTTCGATTAGTCTT

>trans_s_6049 NM_001068395|Oryza sativa Japonica Group Os08g0431100 (Os08g0431100)
mRNA, partial cds

TGTGAGAAGCAATTTGATAATGATGATATCAAAACGTTTCGATATTACACAGGTCAAAGGCTACTGGAAGCAA
GAAATACTCAGATACATGTATGCTCTTTCTTCAAAAGCGCATGCCCACTCTCAGCAGTCAGAAGATGACACAA
GTGCTGAAATGAGACCTAGAAAGAGACATCGACGCTCAAGAAATGATGACTTGCAAAATA

>trans_s_6050 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

AAGGCAAACATTGGAACAAAAATATCATTTGATTGTCGATCCTTAAACAAGAAATAAGCAAAGTTCCATCG
TTGAGTGAGAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCTACCGCGTATATCACGTGGGTGTGCAGAAGTA
TCATAGGATTTGATCCTATTCTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGAC

>trans_s_6051 CT029386|Poplar cDNA sequences

AGACTTCTCTTCTTTCTTCTCTGCCCCGTTAAATCAAGCGAGCAATCAATATCCTCAATCACGATTATCGAT
TTGCTAGTAGTCTCAATCAAAAGTTTCCTAAGCTCTGTGTTGTTTTACGGCAGTGAGTTCCAAGTCATAAATA
TCGTAATTCAGTAGATTTGCCATTGCAGCAATCATAGTTGATTTCCTGTTCTT

>trans_s_6052 NM_105147|Arabidopsis thaliana CP5 (CP5) mRNA, complete cds

GGGAAAAACATTCCCAAAGTCTGTGGTTGGTGGGGCGATTGCTCTAGCTTGCACTATTGACCGTGGACTAT
TAACGAAGGCAGTCATATTTGGGATCGGCAGACAGTTCGCCAAGATTGGGAGGAGATTGTGAACTGATTGAT
GCAGGTAGGCTCAAGTTTTATTTTTCCCTGGTCACAATGCCTATACATTTATTGAAGG

>trans_s_6053 AB490003|Citullus lanatus subsp. vulgaris CitAuR mRNA for auxin-repressed
protein, complete cds

GTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGGGTGTCCCCGGACTAGCTGGCAT
AGACATGGATCTTTGGTATTGCTTCCATCTCCTTCCAAATCTTTAACGATCAAGGGCTTAGTACTGACTTTTCT
GAGCTTGCCGAGGCCACGGACAGGCTGAGGTCCAGCCACAACATCATCCCAAAGTTT

>trans_s_6054 AC209224|Populus trichocarpa chromosome POP064-N07, complete sequence

GTGGTAAGCGCTCTAATCTCTACTCCGTTGTCGTCCAGCGGTTAGGATATCTGGCTTTCACCCAGGAGACCCG
GGTTCGTTTCCCGCAACCGAACCATATTCTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACACACCAATCCATCCCGAAC
TTGGTGTGGCCAGATAGGATTTGATCCTATTCTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAAT

>trans_s_6055 BT020374|Arabidopsis thaliana At3g51860 gene, complete cds

AATACTTAACAAGCCATGCAAATGCACTCCAGAATCCGATCACTGCCTCTTCTCCTGGAACGTCATCGTCTTCA
CCTTCTCAGCTTCAAATAGTTGTCGATGAGTCCAGAGTTGAAAGACCAAGTAAGCAATGTAAGCAGAGAGCA
TCACAATGCTGCTAGCTCTGGACAGATGGAGGGTCGAGGCGGCGGCCGTGGAGGCGGA

>trans_s_6056 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA
(rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence;
chloroplast

AAGCATCTAAGATCATAATAAACAACAACTCGCAGACATCTCTTCGGGAATCCTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGC
ACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGA
AGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGAAACAGTGTGCGT

>trans_s_6057 AJ250378|Capsicum annuum mRNA for chloroplast ferredoxin-NADP+
oxidoreductase precursor (fnr gene)

GGTGAGTCCGATTAGAGCTCAAGTGACTACGGAGGCTCCAGCGAAGGTGGAGAAAGAGTCGAAGAAACAAG
AGGAAGGAATTGTGGTTAATAAGTTTAAACCCAAGACTCCATACATCGGACGTTGTCTTTGAACACGAAGAT
TACTGGCGATGATGCTCCCGGCGAGACGTGGCATATGGTCTAATGTGATTTCTGCCAGT

>trans_s_6058 FM992541|Closterium lunula chloroplast partial 23S rRNA gene, strain M 2156

AGCGGAAGGTGGATTCTCTAAACCGAAAAACACACAGATCAGCCGTGGAAAAAAGGAAAAGGCTAATCTGCA
ACACTAAACGACGACAATCTAGCACGAGCAATGGGGCTATCACCGTCATGGAGATAATAAGAGTAGCCCGGG
GTGCATCGTGATAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCTGT

>trans_s_6059 XM_002311983|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca1
(Lhca1-2), mRNA

AGTCGGTGATGGTTCTGTGTGCAACAATCAGCATACCCAGGAACAGGGCCATTGGAGAACTGGCAACTCAC
TTGGCTGACCCATGGCACAACAACATTGGCGACATTATCATCCCAGAACAAATTCGCCTTGAATTTGTACTG
AATCATACCAATTGTATAATTTCAAAGACACATAATTTAGACTTGAGTTCGAAAGGA

>trans_s_6060 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGAGGTCGCTTTCTTTGAACCCGTGACTTCAAGGTTAT
GAGCCTTGCGAGCTACCAAGCTGCTCTACCCCGCGATAAAGAGAAGAACTGTGAACTAATAGACAAACAAAG
ATTGAATGCACCCCTATACCATATCTGTACAAATAGAATAGTCCATTTATAACTGAACT

>trans_s_6061 Novel Gene

GTTCACTGAACAACCTCCAATTCTGCAAGGATGACATGAGGAGAGCTTACAGAGAGAAAGTTGGGAGTTCAA
GAAGAAGGCGTATCAAAATCCGCGACATCATCGACATCTTAGACATCGTCGTACCCATCATCCCCATTCTTC
GGGAGTAACACTCTCAGTGCCGGTCCCGACAACACCCGCATTATGGTATGCCATGTG

>trans_s_6062 GQ998271|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 RNA polymerase beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TTAGCGAGCGTTTGATATATGAAGATATTTATACTTCTTTCCACATACGGAAATATGAAATTCAAACATCATGTG
ACAAGCCACGGACCTGAAAGAATCACTAACGAAATACCACATCTAGAAGCCCGCTTACTCTGTAATTTAGACA
AAAATAAGGCCATTATGCTGGGATCGTGGGTGGAGACGGGCAGCGCAAATCATCCAC

>trans_s_6063 AY260021|Hydrostachys multifida 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CCGGTGCGCCCAGCATGTATCTTCCCTAAGGTTACAGTGTGAAACAAAATGATTCCACAACGATTAACAAATG
GAAGAGCTCAATTTATATTGTACCTTCCGACACGAGGTTGGTACCAAAAAACCAATCTGCTTTGTAGATGAC
GTAGAACCTTTCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTACAGGCGCCTGCTACTACC

>trans_s_6064 AY103807|Zea mays PCO130571 mRNA sequence

ACCCTGACAACTTTGCCAAGATGTATGCCTCCAAGTTTGGAGTAGATGAGGCAAAGATGATGGAGAGACTTT
GGGGTGAGAATTTCTTTGATCCTGCAACCAAGAAGTGGACCAGCAAGAATACTGGCTCACCAACTTGCGAGC
GTGGGTTTGTCCAGTTCTGCTACGAACCTATCAAGCAGATCATTACAACCTTGCATGACC

>trans_s_6065 FJ410943|Cucumis melo centromere-specific repeat C sequence

CCCTCACCTGGGGTAAAAAGCGGTCCCCGACGGTTTCTTCCCTTTGCTCCGTATTGGTCATAAGTCTTTTGA
TCTTCGGGTCTCGTGCTCCGAGGACTTCAACCCACACTCCTGGCATGCTCCCTGACACGTTTTCCGGAGGTATA
GGTCGGAAGCGAGCTCGTTGGAGGGAGAACTAAGTTGCAACCCGAAATGATAACA

>trans_s_6066 AY727612|Arabidopsis thaliana ecotype An-2 SEPALLATA2 (SEP2) gene, complete cds

ACTCAGAGCCCGAAGCATCGGGGATATAACAGCAGCCGTTACCACAAGCAGAGGAATGATGAACTAGAAAA
TGGGAAGTGACATCGATGATCTCATTTGCTTCAGAGTACGTTTAGTTGTATAATCAGTATTAGTGGTAAACACA
TGTATTTGTAAGGATAAAGTTTCATTTGTGGTTCTTCAGTTTGTAGCGATCTTATGAG

>trans_s_6067 AF271636|Zea mays lysine ketoglutarate reductase/saccharopine dehydrogenase (LKRSDH) gene, complete cds

TACTTTGAGGGCTTCGTTATCTGGTCAGTGCGGATTTAATCTGTTCCCATTTGACTCGTTCCCTTGGAAGCCATA
TCGATCGTGTTACTTTTTTCAATCTCTCCCTTTGCTTTCAAATCTTATAGCGTTCCGGGAGAACTGGAGTAG
CTACATCTCGTGCCGGCGCCCCCTGCTCAGTAGAAAATAGAAAGGTGGGGTGAG

>trans_s_6068 NM_100952|Arabidopsis thaliana SEX1 (STARCH EXCESS 1); alpha-glucan, water dikinase (SEX1) mRNA, complete cds

GCCCAGTTGAAGCTGTTGGTTATGTAGTTGTTGTGGATGTCAACAGCTGTTCAAGATAAATCATATGAGAAAC
CAACAATTCTAGTTGCTAACCGAGTAAAAGGTGAGGAAGAAATTCCAGATGGTACTGTTGCAGTGTGACACC
TGATATGCCAGATGTTCTATCTCATGTTTCTGTTTCGAGCAAGAAATGGAAAGGTTTGA

>trans_s_6069 XM_003074079|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g00660) mRNA,
partial cds

AGATGACGGGTCTCGCTCCTTCTATCCTTTCTGCCTCTTTCATTCTCTCTATGTTTTGTTGTTTTTTCGAAGTTCT
AAGACTCAAATCTTTGAGCCTCTGACTCACTTTAGCTTGTTGTACCGGAGTGGTTCATCGTCAAAAGAAGAAG
AAGAAACCCGACGCCTAGAAATTGATATAGTTTGGGGCTTCTCGTCTAAAG

>trans_s_6070 AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

TCTAATAATTGATTGAGTTATTAACAAAGAACCTCTTACTTTGAGCAAATCGAATGCTATCCCAGAGTTCTCC
TATTTCTATACGTCTTTCTTAAGGTGCTTTTCAACAACCTTTCTACTTTTTGCATAAAACCGAGGGGGCCTCCT
TGGACACCATCAGAGATTACCATTCGCGAGATTAGAGATACGATCGTCCTCC

>trans_s_6071 EF595936|Cucumis melo isolate 2007-B29 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence;
chloroplast

GAGCCGCGGTGGCTCCCTTGACCTAAATAAAGCCCTTTCGCCCCTATTTAATATAATCCTTAGGAAAAGTATTT
TGTTTCCGCCGAGCTAAAAAACGATGTGCGACGTCTCTAGTAAACCAAGACATTGTTTAATAGCTATTTTGT
TTGCTTCAATCTCCCTTATACAAAGAAAAAATTGAAGATTAGTTACGATTGGGC

>trans_s_6072 GU476456|Adenia heterophylla isolate EE4_11D_ADEHET 18S ribosomal RNA gene,
partial sequence

AGGTATGCTTCTGACCTAGATCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAA
TATGAAACTTCATACACCTTAAAGTTGGTGGTGCCCTCCGTCAATTCCTTTAAGTTTCAGCCTTGCGACCATAC
TCCCCCGGAACCCAAAGACTTTGATTTCTCATAAGGTGCTGGCGGAGTCCTTA

>trans_s_6073 AF206849|Anisoptera marginata 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

GGCGCGCAAATTACCAATCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCCCGCCACATACCAAATCAGGAGAGTCT
GGTAATTGGAATGAGTACAATCTAAATCCCTTAACGAGGATCAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCAGCC
GCGGTAATCCAGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGT

>trans_s_6074 NM_180810|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein
(AT5G46250) mRNA, complete cds

GACAAGAACATTCCTGTGCGAGTAACTGATCAGAACGGTGATGAAGAAATCCGAACGTTGTAAATGAGCAT
CATGACGGTGTGCCTGATGAGGAGGAGGGCGATCATCAACACAAAGACAAGCATGGACATAGAGGTCAAAC
GACCTTCAGAACTAGAAGACAAAAGTACAAGGGTGTCAACGGTGAACAGTCAACTCAGA

>trans_s_6075 AB554221|Glycine max GmGla mRNA for GIGANTEA, complete cds, cultivar:
Moshidou Gong 503

GGAAAATATGCAGTTAGAGAACTAAAGCCACCTACAACCTGCTACATCTCGTGGGTCTGGAAAACATCCGCAAC
TTGTACCATCAACTCCAAGATGGGCTGTTGCTAATGGTGCTGGTGTTATATTAAGTGTATGTGATGAAGAAGT
TGCTCGATATGAGACTGCCACGTTGACAGCAGCAGCTGTTCTCTGCACAAGTCCACT

>trans_s_6076 AY391820|*Psorothamnus polydenius* var. *polydenius* trnK gene, partial sequence;
and maturase (matK) gene, complete cds; chloroplast

ATAGATTAATCTGCAATTTTGATATAATCACGAACTACGCGGGAAGGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATT
TTTTTCTAAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTG
ATAAAGAGTTTTTTTCCAAAATCAAAAGAGCGATTGGGTTGAAAACCCCCCTTTT

>trans_s_6077 NM_126764|*Arabidopsis thaliana* ribosomal protein S4 (RPS4) (AT2G07734) mRNA,
complete cds

AGACGACTTAAATACGATCACTTTGCAACTCTTCTTTATATAGTAATTCGACCTATTGCTCCGCATCCCCCATC
AGTTTACTATGAAGAGCAAAATCAAAAGTCTCTCACTACCTACTCATTATTTGGAGGTGAATTATAGAACACTA
AAAGCTGTGGTATTTTATGGACCTAACATAGGTGTGTAGGGAGGTAGTTATTTT

>trans_s_6078 M81726|*Oenothera berteriana* NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
3-5

AACACAAGACCATCAAGTGGCGAAGGAAACCCGCCGCTATATATTTGACACGGGAAACGCGTAATGCTAAAA
CTATGGCGAATGCATCTATCGTCATTAATACATAAAATCAAGATACCAATTAGTAGTGATTGAATTCCTTCTATG
GTTCCACATGAGAAACCTATACAAATATAACCTACATGTCCAATTGAACTATGAGCT

>trans_s_6079 X74164|*O. berteriana* mitochondrion ORF206

CCTCTAGGTCCACAGAATGGTTTCATGTTCTTTTATTGATTGGTTATTTCTCCCTGTTCTGATCTCTTTTTCCAATT
TTGGTCTCTCTGAGTTTACAAGATTGAATGGCTAATTCGGACCCTCGATTGATTGTTTTCCAAGAATGTTGA
GCCGGGTATGTAAGCCGTGTATCTGGGAGGAAGTGAAAAGAAGGGCTTTCGC

>trans_s_6080 AM745792|*Andrachne pojarkoviae* partial 17S rRNA gene, ITS1, 5.8S rRNA gene,
ITS2 and 26S rRNA gene, specimen voucher I. G. Kovatshev s.n

TTTTCGCTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTTGTACCAGGAGAC
AGGTAGCTGAGTGCAAGATAAATTTACACGGAGCTGTTTAATACTGGCAGATTTCAAATCAATTTATGCTTCG
GAAACATGAACATCCATCATTTAAATCTGAGAGAGTTCACCAGTAAGAAGCAACAAC

>trans_s_6081 EF207456|*Ribes americanum* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CTTCATCATTCGGGTGGGGTGAGCAGACATCTCTTCTATTCCGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCACAGCCGA
GACAGCGATGGGTTCTCTGCCCCGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAAGGTCACG
GCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGTTCACCACTGATGTATGC

>trans_s_6082 AB237912|*Nicotiana glauca* chloroplast DNA, complete sequence

TTTAATGCCTATTGGTGTTCCAAAAGTACCTTTTTCGAAGTCCCGGAGAGGAAGACGCATCGTGGGTTGACATA
TAGTGCGACTTGTGAGATATATTGGGTCATATGGTATTTCCCCGTTCTCTCCCCGATCGAGATATCCTCTCTT
CGCCCAAGACGGATTGATTTAATCATCAAATCGGGTCTATGTTTAGTTGCGGCT

>trans_s_6083 NM_001053520|Oryza sativa Japonica Group Os02g0523500 (Os02g0523500)
mRNA, complete cds

CAAACCTTCCTTCAGTAGTGATAGAATACCTGATGCTCACCTTCTTGAACAAGCTGAAAGATCTGCTAAGCGTCA
GAAACTCAAGATTTGGGAGAACTATGTTGAAGGGGAGGAAGTGTCCAATGGTGCAGCTGTTGAAAGCAAAC
AGAAAGAAGTGCTCAAGGTAATTGTCACCGAGTTTTGGGTGGTGGCAAACCCCGCAC

>trans_s_6084 Z14078|T.aestivum mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

GCGGTCACGGGGGCCCCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAAAGCGGGAAACCTTACCAG
CCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGGAACGCGGACACAGGTGGTGCATGGCTGTCTG
TCAGCTCGTGCCGTAAGGTGTTGGGTAAAGTCCCGTGGTAGATATGGTTTCTACACCCGA

>trans_s_6085 NM_001185288|Oryza sativa Japonica Group Os01g0192550 (Os01g0192550)
mRNA, complete cds

CATCTTCTCTTTTCACATTTGCTCAACACAAAATTATCCATTCATACCCACTTCCATTTTCATGGAAATCTCCTCTTT
CCCATTTCTTAATCAAGAAGAATTCTTACCTATCTTCAATCTTCTCCGATATGGATAATAATCCCACCACCCCT
TTCAATGTGAATCCAACACCCACCCCATATCTCTCGAGTCAAACCCAGA

>trans_s_6086 AP009370|Barbarea verna chloroplast DNA, complete sequence

TTCTTTATTTTAATTACGAATAATTAAGAATCTCCATTTTCAATTTCTTCATAGAATGGATTACGAGTTTAACA
CTTCTTCAGACGTTGGAAGTCTGCGGAGGGCGGCCGGGGGAGCCTACTTGACCCAACAGAGTTCAAGTCTAC
CGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCACTTCCACTTGACACCTA

>trans_s_6087 EF207456|Ribes americanum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAACTAGAAGTGTGTGGGTCTCCTAAAGAACAGGACATTGGTATTTTTTCACGAAAAGCAAACATGAGATAA
CAAATCCAGTCTTTCTACTAAGATTTTGAATAGCTGTCCCGAATTCAAGTTGATTATGTTTTGCCAGAAGCTCGT
AAAAGGACGATCCAACAATCCCAATCATGGTCCTTGCGGATCTGATCATCCATAT

>trans_s_6088 FM992561|Cylindrocystis crassa chloroplast partial 23S rRNA gene, strain SAG 23.97

GCGTCAGCAGTTACTTCGACCAACTTGCTCGACTAATGTTCCCCCTACCCCTTAGCCGAGTACCACAGCCCAT
CATCACCAGCTACATCTACCGTTTTAGCGACAATGACGTTCTCGCCGCCTTGCTAAATTCTGCCGAGTTCCTT
AGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCTGTGTCTGG

>trans_s_6089 DQ629222|Leucolejeunea clypeata large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

CGAGGCCGATAGGCGTAGGCGATGGACAACAGGTAGATATTCCTGTACCACCTCATGATTGTTTGAGCGATG
GGGGGACGCAGTAGGATAAGGAATGCGCACCGATGGACGTGTGCGCCCAAGCAGTGAGAAAGTCAGATAG
GCAAATCCGTCTGGCAATTTCAAGCTGTGATGGGGAGGGAGGGGTCTGTAATTTCAAAT

>trans_s_6090 GU359049|Lindernia crustacea 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, complete sequence; and 5.8S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCGCGATGTGACTACATAAGTTGCTCAGATATCGGAACGCCCCGACAGGCCCGGGTAATCTTTGAAATTTTCATC
GTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCACATCTTCCGGAAGCTGCCGCGGAGTCATCAGCTCGC
GTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACAGCCCGTCGCCTTGGGTGTAAGACCG

>trans_s_6091 AY527172|Cucumeropsis mannii voucher PI532721 NADH dehydrogenase subunit F
(ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

GAAAAAATATCTATTTCTAACTTCGAATTTCTTTATTTCCATCCGGAGGGTAAGAAGTTTCATAAACAGGTCTT
TTTATATTTTGATAGCGTGTCTTTTAAAGTGAATTCATCCTTTGTTTTTCTTTCCAAAGCGAGAGGGAGGA
ACTAGTGGTAGTCTCTAATGGTAAGCGCTCTAATCTCTATGCTAGCAGGAGG

>trans_s_6092 GQ464834|Pleioblastus chino 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TATAGGTGCCTCTACTACTAATGACGCTCGAACAGGCATGCCCCCGGAATACCAGGGGGCGCAATGTGCGTT
CAAAGATTCGATGATTCACTGAATTCTGCAATTCACATTACTTATCGCATTTTCGCTGCGTTCTTCATCGATGCCA
GAACCAAGAGATCCGTTGTTGAAAGTTTAACTTTCTCGTTCGAGCTTTTCT

>trans_s_6093 AJ580839|Nicotiana benthamiana mRNA for SUMO E2 conjugating enzyme SCE1
(sce1 gene)

CATCAGGAACAGTCTGTCTATCGATTCTCAATGAAGATAGTGGGTGGAGACCAGCCATAACAGTTAAACAAAT
TCTTGTTGGAATCCAGGATTTGCTGGATCAACCAAACCCGGCTGATCCTGCTCAGACAGAGGGGTATCATCTC
TTCATCCAGGATGCCGTTGAGTACAGAGGAGAAACCTATTGGTGAGCCAAGCAAAT

>trans_s_6094 X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

GGATGTCAAAATGCATCAGAAAGATCGGAACATGGGAATAGATTGGATACCAATACGGACTACCTATTTCAAT
TGTTGTGCTTTCTCAAATTGCATACCTATACAAGGGTTCAAGTTTTGATCGATATTTGCGGAGTTGATTATCCCT
CTCGAAAACCTCAGATTTTCAGTGGTCTATGAGGACTCAGAGCAGAGGTGTCCAG

>trans_s_6095 EF595955|Myrmecosicyos messorius isolate 2007-B48 tRNA-Gly (trnG) gene, partial
sequence; chloroplast

CAGACGATGGGGGATAAGCTTCAAAATTTATCCATCTTCCATAAAGGAGCCGAATGAAACCAAAGTTTCACGT
TCGGTTTTGAAAATCCTGTGGGTGTTTGTGGGTGATGAATCAACGTCGACTATAACCCCTAGCCTTCCAAGCTA
ACGATGCGGGTTCGATTCCCGCTATCCGCTCCAACCTAAAAAGGGTTCCTAAATG

>trans_s_6096 FJ437211|Corchorus olitorius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTACTATCAATAATATAAAGAAGCAGACGCGGGGCCTGGCTCTTGCCCCGACGGCCGGGTATAGGTGCGCGG
CTTCAGCGTTGCTTGCCCCATAAATCGACCAGCGATTACTTGTGACCACCGTGTGTCTTTAGCGGATTTTCGAC
TTCCATGACCACCGTCTGCTGTCTTAATCGACCAACACCCTTTGTGGGATCTAGG

>trans_s_6097 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

AATCTTAGGAAACGTCTGCTGAATTTATGCGCTGTCCATAAACAAGTGTGTCCACATTGTCTTCCCTGCCCCG
CGTCTTAAGCGCGATTGCTATAATATATACTTCCTTGACCACTTTAAGACAGATCGATCTTAAGAAGATCATTG
CTTACTCCTCAGTAGCCCATATGAATCTGGTGACTATTGACGCACCCGACTCCT

>trans_s_6098 Novel Gene

ACTCAAAACAAGAAGCATACTGGAAGATCTCAATCGGACAGAGAACTGAGATGTGATCCCAAGCTTGATTA
GCAGGATTGGCCTCAGCCTTGCCGCAGTTTCTGGAATCCGAGAAGAACATAATATGAAAGTGATTTAAGCTG
TCTGTGACATGAAATGCGTAGTTGGTTTTACTGGTTCTTTGGGTGGTTCAGTTCAGT

>trans_s_6099 AC223438|Oryza brachyantha, complete sequence

AATAAGAAAGGAGAGACCAGACCGCCTATTCATTCCTCTGATTTTCTCCTGAATTACTAGCTAAGAGATGCTT
GGATTGAAATGCTGCTGGATAGGCTGTTTCGCTATTACCTTACTCAAGAAATTTCCGACTTGGATGCCTTAGTTC
TTGGGCAGCAGTCTTCTCACTTCCAGGAAGACCTAGATCTGGGAGGAGAGCCCG

>trans_s_6100 AJ225087|Vigna unguiculata beta amylase

CATTCCGTGTTGTCGATTCAAGAGAATCAAATAACACTAGAAGAACACAAATGCAAGAAGAAAAAATATATA
CAAGAGAGAAAGAAGTGGGAGTAATTAATTGGTGTGGATTGTGGGAAAGCAGATGGAAAGAAATGGTG
GGAAAATTGGGCAGAGGCCGCAGCAGAGAGATGTCATAGCTTTTGCTGGTAATTTGCA

>trans_s_6101 GQ998664|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 2 protein (ndhB) gene, complete cds; chloroplast

CAAGCTCTAATACGTCCTAAATACATAAAAAAGCTCCTCTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCTTA
GGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAGCTTTATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATA
TTTCTTGGTTTCAATAGGACTACTTACTCTATTTGTTTCTATCTACTATTAT

>trans_s_6102 GQ998358|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 23S ribosomal RNA
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

CATATTGACTCTGAAGTTGAGAAGAAACAGTCTTGGAAGCTTACGGTTTCATGTTCTATTTCACTCCCCGATGG
GGGTCTTTTTACCCCTTCCTCACGGTACTACTTCACTATCGGTACCCAGGAGTATTTAGCCTTGCAAGGTGG
TCCTTGCTGATTCACACGGGATTCCACGTGCCCCATGCTACTCGGGTCAGAGCG

>trans_s_6103 AF389260|Nepenthes sp. Nickrent 3056 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CATGTGAACGGCACTTGACATGGGTTAGTCGATCCTATCTCTGTTTTTCCCAAAGCTCTCATTACGCGACAGC
GCGAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACGTAAGGGAT
TCCGGAGACGTCGGCGGGGGCCTCGGGAAGAGTTATCTTTTCTGTTTAACAGCCTG

>trans_s_6104 Novel Gene

AGACATGAGCATGTGTGGCACTCAATTAGTCGCGCTGGCACCTCACTCGGCTCCTCGGCGAACTTCGGTTGCA
AAGACTTGATCCTTAGGCGCATGTCTCAGCAACACAAAACGAGGGTTTCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCAAC
ACCTTACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCACCACCTGTGTCCGCGTTCCCGAC

>trans_s_6105 Novel Gene

GAAAACATACAATCCGAACGATCCCACTACATCAGGACCCTTAGGACGTTGCACAAAAGCCATTACTTTACGTT
CAGCTAGCACTAAAAAGGCTACTCCTAGTAGAAGTGGTAGAATTATCCAAGTATTTACGCTGGGACTGCTAT
GTACATTTTCGATTTTCTATTCACTGACGATCTGGCCTGGTCGACCCAATCATG

>trans_s_6106 XM_002892882|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata sugar binding protein, mRNA

AGGGAACACGGAGAGCGAATGCCAGTGGCCGGAGCGGTGCGGGCAGTTCGGGTTGTGTGAGGAGAACCAA
TGTGTGGCCTGCCAACGGAGAAGGGGCTGTTGGGATGGAGCAAGACATGTATGGCGAAGAAGGTAAGTTC
ATGTGACCCCCAAAAGCTTCCATTATTACAACTTGAAGGTGTGGATCATTTTTTGTATGG

>trans_s_6107 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

AGAGGCTGTTTGTTCGTCCTGTCGTTGGTATGCGCGCGAAGCTGAGAACCAAACACTCTGGACATTTTGGGTC
TACCTCTGGCGAGAAAGGGAAGTTTGGTCTTACGACTACCCAGATTCTTCGGGTGGTTCGGAAGCTTGAACAG
GCTGATATGCTTGATTGCCTTCAATTGCTACATCGGTACATTGGATGGGTACGAA

>trans_s_6108 L24092|Ranunculus sardous Crantz 18S ribosomal RNA (18S rRNA) gene, 5' end

TGTTGTCGGTTGAATCTCTAACCGCTATTCGTCGTAGAGCCTGTTGAATTACCCACCGGTGGGACACCCGTCC
AACTCAAGCCCGATCCAATCCTCTTTCAATCTCGATCCGAAGCCCGAAGGTTTTTCTTCTCCTGCTTGAAATA
CGAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAAC

>trans_s_6109 Z14078|T.aestivum mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

AACACGCGAACGGGTGCGTAACGCGTGGGAATCTGCGCTTGTCAGCCCGGTTTAGGACTTCTTTCGATTTTT
CGCGACAACTACTCGGACGCATCATAATCCAGCAACCTCAGGTAAAGGCTGACCAAGCCAATGATGCTTAGC
TGGTCTTTTCGGATGATCAGCCCACTGGGACTGAGACACGGCCCGGACTCCAC

>trans_s_6110 AY847628|Vitis vinifera cultivar Riesling 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTTCATAAGGCAATAAATTAGAGTCTCTGATGCGCTTCTAATCTTTCGTCGTTTTCAGATAGTCGTACCATT
AGTGCTCTAGAACTCTTCTCTAAGACCGATTGCTTCCTTAATGAAGTTTAGCCCGCGGGCGAGTTCTATC
GGGTAAAGCCAATGATTAGAGGCATCGGGGGCGCAACGCCCTCGACCTATTC

>trans_s_6111 DQ641908|Eureiandra formosa ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

GGTCCAGAATGCTACTGCAGGTACATGCGAAGAAATGATGAAAAGGGCTATGCCATTTAGAAATTGGGAGT
TCCTATCGTAATGCATGACTACTTAACAGGTGGATTCACTGCAATACTAGCTTGGCTCATTATTGCCGAGCGC
CGTTGAGCAGGAGGACACGGACAATGTACCGTACGTAGTGGCGGTCGCTCACTCC

>trans_s_6112 M82366|Trochodendron aralioides 18S ribosomal RNA (18S rRNA) bp 1502 to 1688 in mature rRNA

ATAGCCTTGGCCGACAGGCCCGGGTAATCTTTTCCCGGGACGCTACAGCAAAAGCGAGCTGCCATGGCCACC
AACTCCTGTGCTGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCTGCCCTTTGTACACA
CCGCCCCGTCGCTCCTACCGATGTCCGTTGAATTGCCTGTGGATTCGATATGATC

>trans_s_6113 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

AAAGAGCCAGAGAACTTTCGAGTTATGAATCGGGAATAGAACCAATGGGCGATGCTTGGGTACAATTTAGA
ATCCGTTATTATATGTTTGTCTAGTTTTTGGGTGGGGTCTGGTCCCCTAACAATAACGGTCCTAAGGTAGC
GAAATTCCTTGTCGGGTAAGTTCCGACCCGCACCTTCCGCATTATCGAGTTTAC

>trans_s_6114 AF479247|Morella cerifera 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CTCCCGAGACCTTCGGAATTTGAAGCTAGAGGTGTCAGAAAAGTTACCACAGGGATAACTGGCTAATGTCCA
GACCATTTGATGGTTGGATGTTTCGTTTTGAGGGCATAGAGTAATACACAGGTCTTTGCGACACAGTTAGCTT
ATATAAACAAGCTTTCTGTTACTGAATCCCTGAGGACATATGTTCCAGCCCCGCGT

>trans_s_6115 AY968404|Coccinia sessilifolia 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAAGAGCCCAGCTTGAGAATCGGGCGCCCTCGACGTCCGAATTGTAAGAGAAGCGTCCTCAGCGGCGG
ACCGGGCACAAGTCCCCTGGAAGGGGGCGCCGAGAGGGTGAGAGCCCCGTTGCGCTCGGACCCTGTCGCA
CCGTGTCCGCGACAGTTGCTGTATAACATGTGACCTGACAGTTGTTGTTTTTTTTGA

>trans_s_6116 U53856|Arabidopsis thaliana glutathione synthetase (gsh2) gene, complete cds

ATAGGAATTATCTTGTTAAGACCCTATGAATCAATTAACCTTAGATTCAGACTAGAACCACGATGATTCAAT
AAAAAACCTTCCAAAAAAGTTTGGGGGCCTTTCAGACGGAGGTCCTTGGGTGTCCAACAGAGTTCAAGTCTA
CCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCACTTCCACTTGACACC

>trans_s_6117 FJ946892|Chlorophyceae sp. I5 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGAGGTGAAATTCTTGGATTGCTTGAAGACGAACAACTGCGAAAGCATTTGCCAAGGATGTTTTCATTAATCA
GTGAACGAAAGTTAGGGGATCGAAGACGATCAGATACCGTCGTAGTCTTAACCATAAACTATGCCGACTAGG
GATCGGGCGGTGTTTCTATAATGACCCGCTCGGCACCTTACGAGAAATCAAAGTT

>trans_s_6118 L26924|Ginkgo biloba glyceraldehyde-phosphate dehydrogenase mRNA, complete cds

TGCCTGCTTTGAATGGAAACTTACCGGGATGGCTTTCGCTGTCCCTACAGTTGATGTTTCAGTTGTTGATCTA
ACAGTGAGGTTGGAGAAGCCAGCGTCGTATGAAGATATTAAAGCTGCCATCAAGGAGGAGTCTGAGGGGAA
CTTGAAAGGAATTTTGGGTTACACCGAGAATGAGGTGGTGTCCACTGATTTTTTT

>trans_s_6119 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCGTCGCCACAGCTATCTATTTAGTAGA
CTAGAATCTAACATGTGGCTTACTCCAAACATAAGCGATTATACATACGTAAACATGATATCTGAGGAAATCAA
TTAGAAGTATTTCAAATAGAAAATAGATAAGAGATCGGGCGACCCCGTTTT

>trans_s_6120 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

GCGAGCCTGCTGCCTAAACAAAACAGATGAGTGCTCTCCTCGCCTCGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCACA
GCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAAGG
TCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGAACACGTGTGA

>trans_s_6121 NM_180601|Arabidopsis thaliana CER1 (ECERIFERUM 1); octadecanal decarbonylase (CER1) mRNA, complete cds

AATGTCGCTTGCGCTCCACAAACGACGGCGTTTGCAAGGACCAAGTTGTTAGAATTGGCAGTGACCTTTGATT
TAAGCTTCTTATGCTCATTCTCATACAAGGTAGCCACCTGAAAACCAATTGACATAAGGCATCTGCAATGGCA
TAAGCAACCTTGAAAAGGTTTCTCTAAGAAGAACTTTTGTTGTGGCTTTTGG

>trans_s_6122 GQ998854|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ribosomal protein S12 (rps12) gene, complete cds; chloroplast

AATCCTAACTAGATTTGGTTGAGTTTATGTATACAATTTCAACATGCCAACTATTAAACAACCTATTAGAAACAC
AAGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAAATCGCCCGCCCTTCGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGAACATGTACT
AGGGTGTATACTATCACCCCCAAAAACCAAACCTCTGCCTTACCATTTCCTCC

>trans_s_6123 D86306|Cucurbita moschata mRNA for proton-translocating inorganic
pyrophosphatase, complete cds

CCATTAAACATCTTCAAATTGTAATGTTGGAAGATTGGGGTGGTCTTTTCGAGTCTATCACTGGGTATGGTCTT
GGTGGATCTTCCATGGCTCTCTTTGGTAGAGTTGGTGGTGGTATCTACACTAAAGCTGCTGATGTTGGTGCCG
ACCTTGTGGGTAAAGGTGGAAAGGAACATCTTCAGAAGTAGTCCTCAGGAGGAC

>trans_s_6124 AF389259|Nelumbo lutea 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGGCACCACCTTTGCTTATTGACTGATTCCGCTGCCGATTCGTTTTCTACACTGGAGCGATTTGGTTTAGGGGG
ATTTTTCTGGTCGGGAATCCTCATCTGGTTCCATGATTTCTATGACACACCAACTAAAACGTAATCCCACCGAG
CGATTGGTAGAATCCTTTCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGT

>trans_s_6125 GQ983589|Paracryphia alticola 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCGGCAAAATGGATCCGTAACCTCGGGAAAAGGATTGGCTCAGAAGAGAATCTATCGTTAGGCGATACGGAA
GGTCTGTATGCATATAACTTCTATGTGTATTTCTCCCTTAGCTCCGAATCTCCTCCTTCTTCTTGGAACAGT
GGGATGTTTCGGTGACAAGGTAGATACATTCACTTTCAGGTGAACCCACTCT

>trans_s_6126 AY396230|Praecitrullus fistulosus Ycf5 (ycf5) gene, partial cds; chloroplast

ACGAAGAATTATTATAAGTCTCAACTGATTCAACAATTAGATCATTGGAGTTATCGTATTATTAGTCTAGGGTT
TATCTTTTTAAGCATAGGTATTCTTTCAGGGGCAGTATGGGCTAATGAGCTCATTAAATCAGTTATAGTTTGTTT
GATGGTATCTGCTACTCGGATAACCGTAGTAATTCTAGAGCTAATATACAT

>trans_s_6127 EF690284|Citrus sinensis cysteine protease Cp mRNA, complete cds

TCTCAGAGACGAATTTGCATTTGCCGTCTTTCCAGTGTAAGGATATGCTGCTTCAGTGTCAAGGCCACCATTG
TACTTAATGTATCTGGGGATCCAAAGGAATGACTTGTTGCCATGATTGGGACCAGGTGAAACAAAAGAAAAC
CAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTCAACACCATCGACTACGCCTTTCG

>trans_s_6128 Novel Gene

ACCTATTGTTCTACGTGTTGGGCCGGATCGCACAACGCGCAAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGA
AAACCTGTCCTTAACGGGATGGTAATTTCATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTCTGAAGGTGT
TGGGTAAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCTCGTGTTTAGTTGCCCAATTTGAT

>trans_s_6129 GQ200734|Gossypium hirsutum cultivar Xu-142 cellulose synthase catalytic subunit
(cesA7) mRNA, partial cds

CCGGCGCTGTACTTTGATACTTGAAGGACAAGATTAAGCCTTCTTTTGTCAAAGAGCGGCGAGCAATGAAGA
GAGAGTATGAAGAATTCAAGATTCGAATTAATGCACTTGTGCCAAAGCACAAAAGATGCCTGAGGAAGGAT
GGACCATGCAGGATGGAACGCCATGGCCTGGAAACAATCCCAGGGATCATCCTG

>trans_s_6130 GQ983594|*Viburnum opulus* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGTCGTACTTTTCATTTCCCACATACACACCCGCCGCTCGCTCCTACCGATGTCCGTTGAATTGAGGACACCTAATA
GCTACCTAGCAGGATATATCCTAGCCGTCTGTGAAGGACCAACCATCACGGAGAGCGTTACTTCTCATCATC
GCAAGAACCTTTCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGC

>trans_s_6131 HQ340170|*Oryza coarctata* ubiquitin 2 gene, partial cds

CAGGAGCAAGGAAACAGACATAGTCATACAACATCCAGAAGGAGTCAACCTTGCATTTGGTGCTTCGTCTCCG
GGGTGGAATGCAGATTTTTGTTAAGACCTTGACCGGAAAGACCATCACCTGGAGGTGGAGAGCTCCGACAC
GATCGATAATGTGAAAGCTAAATAAGTCCACCCCCCGTAAGGAGGGGATCA

>trans_s_6132 D86306|*Cucurbita moschata* mRNA for proton-translocating inorganic
pyrophosphatase, complete cds

ACTTAACCTCGGTCCGACGAAGTAACTGCACCAAGCAGAAATGATATAGTACTGAATGTAGCCGTTGCCAAAGC
TGGCTTACAAGTTTTTTGTTTGTTCATATGAGCACGGTTGGGGCTTGTTGTTTGAAGGTGACAGGATCCCAT
GGGTCTTTCTGTCCAGGTGCAGGTAGTCCGCATCTTCACAGACATGTCTATTT

>trans_s_6133 AL161507|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 19

AAAGTATGAAAGGTTGATCCATGTGTTCCACTTCCTTATTATTTTTTGAAGTGGCTATTTCCACTGAAAGGGACC
CATTATATGAACTACGAAACAAGATCAACAACCGTAGATTTACATGATTTCTGTAATATACTCTAAACTTCTA
ACGATTATCTTAGAATATTTTTCAAATTAAGGTCGTATAGGCGTCTCCC

>trans_s_6134 AY104908|*Zea mays* PCO115735 mRNA sequence

GGATCCACGTTTGGACAAAAATGTCAGAGTGGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCCGTGTAGGGCTTTACTG
AGATGATTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCTCCCGGCTCTCGACGTAGGTTGGGAGTCCATT
GCTCGTAAGAGCAACAAATGTTATGTGAGGCTGGTAAGTGTCTCACTATGGCAA

>trans_s_6135 AP009375|*Lobularia maritima* chloroplast DNA, complete sequence

ACGCCACCGGTGCTTAAAAAGCCCCAACGACGTGTGTAAAAATAAACATTGAAGAGAAATTTCAAGAGAAAT
AAATAATTCAATGATTTTATCAAAAAATATTACTATGGTTCGAGAGAAAATCAGAGTATCGACTCGGACACTAC
CTGTTCTGTGTGGTCCGACCTCTGTCTGTGAGGTGTCTGTTAAGGGTGAAA

>trans_s_6136 EU002543|*Staphylea colchica* RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene,
complete cds; chloroplast

CCCAGGGGTGGGCCTTCGAGGGGGGAAATGAGAGATATTTTGTCCACCACAAAGAATTATTTGATTTTTCAT
TTCAACGAATTTACATGATACATCAGAACAAAGCATTCTAGGATTTAATGATTCATAAAAGTGGAGTCATCCTG
TTAACTAGCCGCGGGCGCCCAAGCCGCCTTATTAATAGGCGATTAAAATA

>trans_s_6137 AJ316582|*Atropa belladonna* complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

CCAAAGGTTCCCCGATGGACCATTTTGCAAACGCCTACGAAAAGATCGTTTGGATTAAAGAAAGAGTCGCTT
GGATTTATCCATGGTTTTTTTATTCCTTATCCCGAAAATCCTATTTCTTAATTCTAAATCATTTTAGATCCGATCG
ATGCGATGATGAGATCGCCATAGAGAATCAGCAACCAAACCTCCTGTGAG

>trans_s_6138 EU580727|Citrullus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA,
complete cds

AATTGGGGCAACACCGATGGTGAGTATAGTAAAAGACATAATCGACAACATAGAGGAGAAAGAATCAGAAG
CAAATGCAGTAGAAAATGGGCAAGGGCATAGCAGTCGAGGAGGTAGCAAGCATGGAAAAGGATTCCGAACA
AAGAAAGCATACTTTTACTGGGTGACAAGAGAGCAAGGGTCATTCGGGCAACCCGG

>trans_s_6139 NM_001067737|Oryza sativa Japonica Group Os08g0198900 (Os08g0198900)
mRNA, complete cds

TATTGCGGGGCTTTTTTTAAATTAATAAATAAACAATAAAAAATGATTCTAGGTTATCAAAGCCCGCAATAAT
ATCCAATGTTATGAAGGTGGCTAGGTTGTTTTCACAAGGTATCAGCAGTGACCAAGTTAAGAGAAAGGCAGA
GAATATGGTAAAGAACATCCAAATACATAAACACAGCTTGTGTTTCAATT

>trans_s_6140 AY372539|Cucumis sativus signal recognition particle receptor protein mRNA,
partial cds

CAGCAGATCAGGGCCAAAGTATGATGGACAAAGAAGAGGTCTTGACGACAGTGTGGAGGATGAAGAAGAT
GAGGAAGGTGACAAGGGTACCAAGCCTGATGCTAAGAAGAAAGGGTGGTTTTTCGTCTATGTTCCAGAGTATC
TCAGGCAAGGCAAGTTTGGACAAGGCAGACCTAGAACCGGCTCTGAAGGCTCTCA

>trans_s_6141 EU870518|Nicotiana tabacum RAV mRNA, complete cds

GCGGTGGTGAAGAAGACGACATCGTATCCGCTTTCCTCAACTCCCATTCCAAGGCGGAGATCGTCGACATGTT
ACGTAAGCATACTTATTTAGATGAACTCCACCAAAGCAAACGAAACGCTGGGTTATCCGGTTCGGATCGTAAA
CGAAACCGTTTGTATCCGGTTCGGATGATGAACCGGAAACCGCTCGGGAAC

>trans_s_6142 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

CTTGAGCGAGAGTTAGTGGCTACTAAGCTATTTCTTTGGAAAGCTCCTACTAAGATGAGAAATTCCTCGATA
AAGCTGCTAGTACCAGGTAACTCATATTGGCCAAAGTGAAAAAGAAGAAATGGTAGAGAAATTCGGCATG
GTGCTCACTAAACCTCCATAATATCTAACAAGTCGAGTCTGATGTCGGTCATA

>trans_s_6143 AY019836|Oryza sativa microsatellite MRG2161 containing (CA)X38, closest to
marker G1185, genomic sequence

AAAGGTTGGGACGCCCATTGGTTGGTTGTTTCTTATGCATTTGTCCAAGTGTGTGTTGTGTTGATGCTTTTGGT
TTACTGTTTTGAATGTTTTTGTGTGGTTTTTGTGTTTTGTGATTTTGGGACATAACAACAACAATCTACTTCCTA
TGTAATTCAATCAAAGTTTATTATGATGTTTGGTTAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_6144 AM919444|Euastrum divaricatum chloroplast partial 23S rRNA gene, strain SVCK
156

CTTTATCGAAATCCCGATCGGAGAAAGATGATGAGTACTGGAGGTAGAGCACTGATTGGACTCTGGGCCCCCT
ACCGGGTTACCGAATTCAGTCAAACCTCCGAATGCCATAGACTTTGTTCTGGGAGTCAGACTGTGGGTGATAAG
GTTCATAGTCGAGAGGGGAAACAGCCCAGACCGCCAGCTAAGGTTTTGGGACAC

>trans_s_6145 X80470|T.durum mitochondria atpA and atp9 mRNA

CGAAGTCGCCGCTTTGCTCGATTGGGTGACCTTGATGCTGCGACTCAGGCATTACTCAATAGAGGTGCA
AGGCTTACAGAAGTCTTGAAACAAGCACAATATGCACCACTGAACATTGAAAAACAAATTCTAGTCATTTATG
CTGCTGTCAATGGATTCTGTGATCGAATGCCACTAGATATTTTGGCCGATTG

>trans_s_6146 U79733|Beta procumbens nematode resistance (Hs1pro-1) mRNA, complete cds

GTGAGTTACTTAGAGAATCTTGAGAACTCAACACAACCTCGGTTCCCTTCGCCTCTAAGCTTCCCATCACCATTA
CCAGAACTTGCTTGATGCGAAGAAGAATTTCTTTATCGCCGATTCAATCGCTTGCATAGCTTGAAGAAGATG
GATCTTCTCCCACTCTGTTTCTCGCTGTACAATTCATCAAGTTGCGCC

>trans_s_6147 GQ998229|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

CCTGGCATCGGTGAGGCTCAATCAAATATGGTTTTTGGGGTTGGAATTTGTGGCGTCAACCTATAGGGTTTG
TTATTTTTCTAATTTCTTCCTTAGCAGAATGCGAGAGATTACTTTTGATTACCAGAAGCAGAAGAAGAATTA
GTAGCGGGTTATCAAACCTGAGTATTCAGGGATAAAGCCCAACCCGCCCGC

>trans_s_6148 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

TGCAAATAATATCCAAATACCAAATTTTCCCCCTATATACCCTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGGAAGATC
AAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCAATAATTCCGAATTTAACCTTCCAAAATACGAAT
GCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGA

>trans_s_6149 EF470306|Phoenix dactylifera cultivar Barhee 16S ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

GGTGAGCTAACTCCAAAACCCGTGAAGACTGGATTGACATCTAGTACCAGAGCCTGCATGAAGCCGGAAT
CGCCAATAATCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTCGTTCCCGGGCCTGTACACACCGCCCGTCACACTA
TGGGAGCTGGCCATGCCCCAAGTCGTTACCTTAACCGCAGGCACACTCTGTAG

>trans_s_6150 AF043554|Nicotiana tabacum hairy root 4 (HR4) mRNA, complete cds

CAATTTCAAGCTGTGATGGGGAGGGAAATTGAGTACCGAAGTTCCGGATTTCACTGCCAAGAAAAGCCTCT
AGTTAGATCATAGGTGCCCGTACCGCAAACCGACACAGGTAGGCGAGGAGAGAATCTAAGGTGAGCGGGA
GAACTCTCGTTAAGGAACTCGGCAAAATGACCCCGTAACTTCGGAGAGGAAAAC

>trans_s_6151 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

CGCATCGGCTCAATGAGATCATAAAATACGAAGATTGCAAAGAATCCAGCGGAATGCTTAAATGGAGTTCTC
TGGAGAATGAACTCCGAGAAGGTAGAGTAGAAATTAGTATGATAAAATATGATAAAGTGGTCAACGCGCCAC
TGGCTTTTCAATTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACAT

>trans_s_6152 AY251296|Stellaria longipes 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast
gene for chloroplast product

GCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAGACCCACCCGTCGAGCAGGGACGAAGACTAATCCGACAGCTTAGTAACA
TTTCTGTTCTTTAATGGCGAGTTGCCTATTTTCAATGAGATCCCTATTGTCCGACTAGAAGGGGGAGAGCTCA
CATCTCATTTCAATCTGAAGCAGGTATCAATAATGCATCCGGTGTGCATGCT

>trans_s_6153 DQ673257|Jasminum leratii psaA-psbB fragment, chloroplast

CTATGCGCCTACCTATTCATTTTTATCTAATTGAAAAAATATATTCAAGTGAAAGTTTTTGATTCATCTATTATTA
TGATTATAGATGATACTAACAAAAATCTTGTGACATAGGTAAGAAATCACGTCATATACTAGCATGTCGCAAT
ATGGCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTC

>trans_s_6154 XM_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family
protein, mRNA

TAAGGAAAATTTGCTTATGAACACTGGGATGACATACTTGACATCTGTAATCAGTATGAATATAGCCTATCAA
TTGGTGATGGGCTGAGACCTGGTTCAATTTATGATGCCAACGACACTGCTCAATTTGCAGAGCTCCTAACTCA
GGGCGAACTGACTCGTAGAGCATGGGAAGGAGAGTGTACTGTAATGAATT

>trans_s_6155 AB207917|Artocarpus heterophyllus chloroplast rbcL, accD genes for ribulose-1,5-
biphosphate carboxylase/oxygenase large subunit, acetyl-CoA carboxylase beta subunit, partial cds

AAGTCCCCGACAGCTGTGCTGGATCCGCAATTAAGCCTATGGATCCTTAGGATTGGTGTAGTCATTTAATATTT
AATATATTATATCCCGTAGCGTCGTTTCAGATCCGGGATCGAGCCAAGTATCACAACCTCTTCTACCCCATCCTG
TATATTGTCCTTTTTGTCTGTCTTGGAATACAAATTTTTAGTAGTG

>trans_s_6156 U53856|Arabidopsis thaliana glutathione synthetase (gsh2) gene, complete cds

GCCTAGGTATCCACCGTAAGCCTTTCTTCGTTTGAGAGAAGCGCGCCAGGCCCAAGCAGTAGTGCAACGCAA
GGGCGACGCTCGAAAGCCCCAATAGCAAGCTATTGTTCTGTTAAAGAAAAAGCTCCCCGCCCCGGCCGCGTT
CAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCACTTCC

>trans_s_6157 DQ911149|Cucumis sativus S-adenosylmethionine synthase-like (SAMS) mRNA,
complete sequence

GATAGATCACCCAGGTTCCGGGTCCATAAGCAGTGACAATTGCCCCATGAGAGACCACCAACCGAATCCTATCC
GATTTAAGATTGAGGCTTCTCCCACTTGAGTGGCTTCACAGTTTCCCAGGTGAAATCTGGGTCGTCCCTTCCAA
AGTGTCCATATGCAGCAGTCTTCAAGAATCTGCCATTGTTGTTTTCTTT

>trans_s_6158 EU982507|Panicum virgatum strain 1186 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGGGGTTTAAAGACAAATAGGCGACGATCCCTAGCTGGTCTGAGAGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGA
CACGGCCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCTACCCCTTAAAAGGCGTTAAAACGAAAGTCTGACGGAGCAACG
CCGCGTGAGTGATGAAGTTTTCGGATCGTAAAACTCTGTTCTTAGGGAAGAA

>trans_s_6159 DQ535872|Myrmecosicyos messorius trnL gene, partial sequence; chloroplast

CTTCCAGAAGTCGGGGTTTGTGACGTATTAGCTCTAGAATTACTACGGTTAATTACAATATAGTATTTTCAGT
ACGTAATACGTTTATCTTTCATGTTTCTGGAGTTTCGATGGAAGGATTCATTCCTTTACTAACGCAACGTCGTC
AACTCCATTTGTTAGAACAGCTTCCATTGAGTCTCTGCACCTACCCCT

>trans_s_6160 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

AGCCTATAGAGCCGAGAGCGTAACCCAATGACTATACATGATTCCATAAATGAATCAATTACATACCAGTTCCA
AGAAATTAGAGGTTATGGTAAACTTCGTTTAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGTGCGACTTGAAGGACAT
GATCCACTGTGGATTCTTACACCCACCATTTTATATTATATAGGGGCAGGA

>trans_s_6161 L20419|Pinus radiata transfer RNA-Asp, transfer RNA-Tyr and transfer RNA-Glu genes, chloroplast genes encoding chloroplast proteins, complete cds

CACTTGAAGTGCTCTCTCTTTCAAGGAGGCAGCGGGGATTCTGACTTCCCCTGGGGGTACCACGGGGTTTTTCC
TTCAACTAGTACCTAATAGTTGTTTGAACCTTAACCTAAGAAGGGGGGTCGATGCCCCGAGCGGTCGGCAAAAG
TAAGTCACGGGCCTACCAATGGCGCACTCGTGCTGGTTCAAATCCACGAGCC

>trans_s_6162 XM_001698714|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CCTGGAGAACAGTCCATGGGGCGTGGAGTCTGAGATCCTCCTCCTAACTCTTTCATGTTATGTGTTGTGGC
ATCTTGCTGCTGATCTGCAATGTATTAGGGTTGATGAGCCATATGTTAAGCTTTCAAAGGGGAAAATATTCT
GACAAGGTTTTGTCTGAATGAGACGGCATATCATATCTGTGGATAATATT

>trans_s_6163 GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

ATGGACCTAACATAGGTCACATCCCTCACGACATAAGATTGAAAGATCTAAACCTTCTTCTTTGGAGCGGAAA
CGGACGTGGCCAAACATATAAAGATCGGCTCGCTCATAGGGACATATCTATCCGTCTCCAGTCTCGTCTAGA
TCGATGAATAGATCTCTTTCTATCCATATGTATCGCTATCTCCGTGAGCGA

>trans_s_6164 EU127480|Solanum tuberosum acireductone dioxygenase (ARD) mRNA, complete cds

AACGATAGCAATGAAGACCAGAGGCTTCCTCATCACCTTGAACCAAAGCAATATGTATCCTTACAGCAACTTG
ACGAACTTGGAGTTCTGAGCTGGAGGCTAGATGCTGACATATATGAAACAGACGAGGAATTGAAGAAGATAC
GCCATGATCGTAGTTACTCCTACATGGACTTCTGTGAGGTCTGCCAGAAAA

>trans_s_6165 GU295062|Gossypium hirsutum eukaryotic translation initiation factor 5A mRNA, complete cds

GGAAGACATCACCGACACGACAAGGTCCTTTCCTTCAGCAAATCCCTCCTTAATCTGTTTGAGCAGGTTATCAT
CAGTTGGAAGTCTCAAATCATCCTTGGTATCACCAGTGTGAGTTAAAGACTCACAATCCATCCTCAGAGATA
TCAATCAGCTTCGCATCAGTACGATTAACATGGGGCACGTCACAATTGT

>trans_s_6166 HQ454500|Hevea brasiliensis calmodulin (CAM1) mRNA, complete cds

TAGGACTTCACATGATCAATGAGGTGGATGCTGATGGAAATGGAACAATCGACTTTCAGAGTTCCTAAACCT
CATGGCGAGGAAGATGAAGGATACGGACTCAGAGGAAGAGTTGAAAGAAGCATTCCGTGTGTTTCGATAAGG
ATCAGAATGGCTTCATCTCCGCTGCTGAGCTTCTAACGTGTCGTCACCAGAG

>trans_s_6167 AY800381|Gossypium hirsutum chloroplast protein YCF1 gene, partial cds;
chloroplast

CATTTATCAAGGGCAGAGAAAAACAACTTTTTTTGATTGGATGAGAATGAATGAAGAAATACTAAGTGGTTC
CAGATCGAATTTGAAACGTGGGTGGGTCTTCCAGAAATTTTGATACTTTATAATGCATATAAGATTAATCCAT
GGCTGATACCAATCAAATCACTTCTTTTAATTTGGGGTTGGATGAACT

>trans_s_6168 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)
gene, partial sequence; chloroplast

TTTTCAAAGAAGGGGTTATCCTGACGTAGGTATGCTTCTGACCTAGATCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTAT
CGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAACTTCATACACCTTAATCCCCGACTGCTTGAAATACGAATG
CCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAG

>trans_s_6169 AL161586|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 82

CAGAAGCCGTGCTAACGCGCCAAGGCTCTGCAAAATCAATCTCCTTCGTCCCAATCCTTCCTTCATTACCCCTC
TCTCGACCAATTTTCCACTAATTATCTTTAGAGGATTGTTTCGATCTTTGGAATCGTGTTTTTTGGAGGTTT
CCGAATGGCTGACGGGGTTGATGTGTTTTGGTCGTCACACTATTG

>trans_s_6170 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

TACGGCTCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTTGTGTATGGTGAGCTACAATA
ATGGTTAAAGAGCCGCCACGCTAGCTTGGCCGCTCGCCGTGAGCATGCCATGACGTTGTTAGGATCTCATATA
GTCCTTTATGGCCCTGGCCTGTAAATGGACCTTGAAATACGAATGCCCC

>trans_s_6171 EF595928|Cucumis humifructus isolate 2007-B21 tRNA-Gly (trnG) gene, partial
sequence; chloroplast

TCCCTGCGGATGCTAACGCAAATTTATCCATCTTCCATAAAGGAGCCGAATGAAACCAAAGTTTCACGTTCCGGT
TTTGAAATCCTTGTTTGTGGGTGTTTGTGATGAATCAACGTCGACTATAACCCCTAGCCTTCCAAGCTAACGA
TGCGGGTTCGATTCCCGCTATCCGCTCCATCCCGGTTTCTTGGAAGGG

>trans_s_6172 FJ467933|Carica papaya transgenic cultivar Rainbow beta-glucuronidase (uidA), coat
protein, and neophosphotransferase genes, complete cds

GTCCGTAATAATTCAACAATGTTACTGACCACAATGTATCAAATCAAATAACAATCGATACTATTATTCCAACG
GTTAGACCTTTATGGATTCTTTATCGATCCGGGGTGTGGTACGGAAACGAAAAGACTGGAAAGAATGCACAA
GAGATGAAAATCCCCCTACCGATCAATGATAGATGAATGATAGAAAAATA

>trans_s_6173 AY564238|Cucumis sativus male-specific expression region sequence

TCACCAGAGAATTCATTTTCATGTAGGGGGAACCTTTCTATTCGTTGAGGACAAAGATCTCTGACTCGACATAGT
GGTTTGCTTCATAATATATTAGTGCTGTGTTAATAATTCATATCATTTGGTGAAAGATGTTCTTCAAGTTTATA
GACATTTTATGCAATTACGTGTTCTTTAGGATAGTTCTCGCAACGAGT

>trans_s_6174 XM_002329191|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP714A3), mRNA

AGAAGGAGATTGAGTCAATAATATGGGAGACAGTTCAACAACGACAAAAAGAATGCTCTAAACCTCCTCGT
CGGACAAGGATTTGTTGCAGCTAATAATGGAAGCCACCATCAATGACCCAAATATTGGAGCCAAGGACTCTTC
CAAGAACTTCATTGTTGACAACTGCCAGTCGTAGAACTCTAACTTACCAT

>trans_s_6175 U79733|Beta procumbens nematode resistance (Hs1pro-1) mRNA, complete cds

GGGCCTCCTCTCTCGATTCTCTCTTCAATTCGTTTCAGAAGTTCATGCGCGGAGTAAATCCACGACTCCAGGAT
CTGGTGC GTTGTGTAAACCGTTTGATTCTCGTAATTTTCGATTTGTTTCGTACGGACTCTTCTCAGAGAATGAA
GCTCGTTTGGCTTATGGGCTAGGTCGTAATCAAGATTCGGTTTCCAG

>trans_s_6176 EF011022|Medicago sativa DH mRNA, complete cds

CGCGTTCTAATTACTACTGATGTTTGGGCACGAGGGCTTGATGTTTCAGCAGGTATCACTTGTGATAAATTATGA
CCTTCCAAACAATCGAGAACTTTACATTCACAGGATAGGAAGGTCGGGTTCGGTTTGGGCGCAAGGGTGTTC
TATTAACCTTTGTGAAAAGCGATGACATCAAGATCCTGAGAGAGCGGTCTA

>trans_s_6177 X59885|*L.esculentum* pT62 mRNA for ribosomal RNA internal fragment,
homologous to 26S ribosomal RNA

TGCTTCCTAGCACACCCGAGAAGGATACATTGTGAAGCAGAATTCACCAAGTGTGGATTGTTACCCACCAA
TAGGGAACGTGAGCTGGGGGGAGCACCGTCGTGAGACAGGTAGTTTTACCCTACTGATGACAGTGTGCGAA
TAGTAATTC AACCTAGTACGAGAGGAACCGTTGATTTCGCACAATTGTGACG

>trans_s_6178 NM_001069057|*Oryza sativa* Japonica Group Os08g0562700 (Os08g0562700)
mRNA, complete cds

CGAGCTCACCCCTGTCTCCTGCTCCTCGTGACATCGGGGATTTC AAAGATGGA ACTGGCCGCTCAGGTATATCC
GAGAAGACAAACTCTTCTTTCTTAGTCAGCCTGAGGACTGTGGAGTAGACTGGCTGATTATCTCCAGATAT
AGACCGCAATACCCCATCATTATATACGGAGGAAAGAGGCAAATCACG

>trans_s_6179 AM116756|*Coffea arabica* mRNA for alpha galactosidase precursor (gal2 gene)

GGAGAGGAATGGACATGCTCATCTTCAACACTTGGCATTGGTGGACTCACACCGGAAGTTCTCAACCATGGG
ATTACATTCAAGACGGAAACAGAGTCGTGAAAGACATGAATCGTTACGTAGCCTATTACAAAGGACTCACTAC
ATGGGCTAGATGGGTTAATCTCAACGTCGATCCTTCCCGGCTTTGCCCTT

>trans_s_6180 EU312159|*Cucumis melo* cultivar Madras 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2,
complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AATTAGGAGAAAAGGGAACCTCTCGCGACACTACGGTGGTTGATTCAACCTCGGTGACGCGTCTCGACCTCG
ACGTCGACTTCACGGACTCCTTCACGACCTTCGAACGCCGGGGGAAAAAGAAGGAGCCTCTCGACGCGAC
CCCAGGTCAGGCGGGACTACCCGCTGAGAAATTCGTATAGTATAAATAAGA

>trans_s_6181 EU017282|*Trachelium caeruleum* photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,
partial cds; chloroplast

GTTTCAGGGTGTATGTTCTCCGTTCTTGTGTGGATAAGACCTATGTTATAGAGTATATAACTTCGATCATAGG
GATCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAATCATAATAATTCTCCGCATAATTTCTTCGGATTGAGCCGACA
TCCCATCTCTGTAATAGGTGAATGCCTCTTTTCCCCGGAAGTTGT

>trans_s_6182 AM981118|*Cucumis melo* subsp. *melo* ITS1, 5.8S rRNA gene and ITS2, specimen
voucher personal collection:71ku77

CGTCTGGGGTGGCATGTACTATAGATCATCTATAGCTCCTGAGCTTATTAAGCCATCCGCACAGACCACACGTA
CGGGAGGCCAGTGTGTGTCCCTGCCTTCACAACGACCCCGCATGGGGAGAGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATT
CTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTACAAGGCGGCCCCCGGACTC

>trans_s_6183 Novel Gene

TCAATAACTTGTTGATCCCTATCCCCAGATTTCAAAATTTATCGTTTTTAATTTCTTGGCTTAGTGAGATCGA
AATATACCTAACCTAATCTTAACAATGAGTGAATCAATGAGTGAAAGTATGAGAAATGGAGTTTAATCCTGTTT
ATAGCATATGGCAGACCAATTCCCGAAGGGTACTAGCCTTCGTAT

>trans_s_6184 X80469|T.durum mitochondria genes atpA and atp9

CTCGGGCAATTCCATCTCCTACAGATAGGACTCGACCCATCTCATCCACTTCAAAGACGTTTTGAAGTTCGTA
ATTCTACCTTCTAAGAAAGTTGTTAGTTCTGCTGCTCCAGGAGAGAATTCCATGAAAGAAAAGGGGCGTCCAG
TGAGATGAGAAATGCCACAGGCTCATAGATCTGAGCCATATAAAAACA

>trans_s_6185 FN563097|Micromonas pusilla plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene,
tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain M1681

CCCGTGAATCCTGTACAAGCTGCACAAACATTCAATATCAGGCTACAGTAAAGCTCCACGGGGTCTTTCCGTCC
TGTCGCGGGTACGTATACGAGTCACGCATAGTATAATTTACCGGGTCTCTCGTTGAGACAGTGCCCAAGTCG
TTGCACCTTTCGTGCGGGTCGGAACCTACCCGACAAGGAATTCGCTA

>trans_s_6186 NM_106047|Arabidopsis thaliana zinc finger (B-box type) family protein
(AT1G73870) mRNA, complete cds

AAATGAAAGACATGAAGATAATGAAGATGATGAATCTGGAATAACCAACAAGAACAAAAGGAGAGTATTGA
GTTTGCGATTGGATTGTGAAGCTGTGATTGCGGCTTGGGGTAATCTTCAGTCTCCTTGACAAATGGACAACG
CCCTGATTTTGATCCTGACCAACCTTGGCCCAACTCACGTTCTTGCGTGTC

>trans_s_6187 AB514115|Alopecurus aequalis AaTUA1 mRNA for alpha-tubulin, complete cds

CCTTCAACACCTTCTTCAGTGAGACTGGTGCTGGAAAGCATGTACCTCGTGCTGTTTTGTAGATCTTGAGCCA
ACAGTCATCGATGAAGTCAGAACAGGGACATACCGCCAACCTTCCATCCTGAACAGTTAATCAGTGGCAAGG
AAGATGCAGCTAACAATTTTGCTCGTGGCCATTATACGATTGGTAAAG

>trans_s_6188 FJ797564|Gossypium hirsutum chloroplast chlorophyll A-B binding protein (CBP2)
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AGGGACGGAACAACAAAATACATTCCACCGTTGATCACAAGCCTTATTCCACCACCTCCAACAATGGCTGCTTC
TACAATGGCTCTTCTCCTCCCATCTCTGGCCGGCAAAGCCGTGAACTCTCCCCAATGCCCTGAAATTCAGG
GAACTGGAAGAATCACCAGTCTTTTTTGACCCCGCAAGATCTAACCG

>trans_s_6189 DQ306808|Hevea brasiliensis isolate SSH79 mRNA sequence

ACTATGAAGATATGGGCATTCCATGGGAAATCGCTAAGCTTGGAGTTCGGCAGGGAATGTGGGGAACTGTCA
AAAAGATTGATCCCGGCCTACGAGCATACCAAAAAGAGAGAGCATTAAATTCTGCCATACCACACTGCGCCTT
CATGGCTCAGATCAACACTAAGGTTAATGTAGACTACTTGAGATCTCTAG

>trans_s_6190 AP009376|Nasturtium officinale chloroplast DNA, complete sequence

ATTATTCATTATCAGTTGTTTATGGGAAAATATTTATCAACATATTTTTTCTTCCATTTGAACTCATTTGATCA
TTCTTTTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCAGTAATAAATCTTAGTTAGAAATAGCATAATT
TAAACTTTGTTGTATGTTATCACACACATTCCTTCAATTCTA

>trans_s_6191 NM_001125710|Arabidopsis thaliana ATRBL3 (ARABIDOPSIS RHOMBOID-LIKE PROTEIN 3) (ATRBL3) mRNA, complete cds

ACCCGGTGCTCAACGTGTACCAAAGTATAAGACTTATCAGTACATTCTCTGGTTGGCAGCTGCAATTGTACTAG
TTGCTGGCTTTACCCTGGGCCTGGTGATGCTATTGAGAGGTGAGAATGGAAACAAGCACTGCAGCTGGTGCC
ATTACCTGAGTTGTGTGCCAACCTCACTCGTTTCAGTATAGATAATTCT

>trans_s_6192 NM_121343|Arabidopsis thaliana proton-dependent oligopeptide transport (POT) family protein (AT5G13400) mRNA, complete cds

ATTCACTTCTTCATCAGATGCAGTTAACAATTCCTTGGTATCTCACAAGCCTCCTCTGTTCTTGGCGGTTTCCTT
GCCGATGCATATCTTGGTCGATATTGGACGATTGCGATCTTTACTACCATTATCTCGGGGGCTTAGTAGGAAT
AACTCTATGTGCTACATAATCATGTATTGTAAACCTCAAGGCT

>trans_s_6193 XM_001697771|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CCGCCCTTTAGGAAGAGATATGTTCAAGAGCCTGCTCTGGGGGGTCCACGACAGGATCGCTTATCTCTTGTGC
CTACAATATCTTGTGGACTATCGAGATGCAGCCCATCCCTTCAGGTACAGGGAAAACGCCAACCCCGTCCCTCC
CTGAAACCTATTCTGCAATTGCGGTCACTCTATAGCAAGAGGGCTG

>trans_s_6194 Z82983|C.sinensis thi mRNA

ACGTCGACGATCATGAGCAAGCTCTTGGCCCGCCGAACGTGAAGCTTTTCAACGCCGTGGCGGCAGAGGAT
TTGATCGTCAAGGGCGGCAGAGTTGGCGGGGTCGTCACCAACTGGGCTCTTGTGTCAATGAACCATGACACC
CAGTCCTGCATGGACCCACGTGTGCAACATGACCTTGTGTTGTGGACTC

>trans_s_6195 FR695543|Salix caprea chloroplast petG gene (partial), petG-trnP IGS, tRNA-Trp gene and tRNA-Pro gene (partial)

CTTAAACTCAGCGGGTAGTCCCGCTGACCTGGGGTCGCGTCGAGAGATGTGATTTCGATTCTTGTTGTTGTTA
AATCAAAATGATACTGAAATAATTCAACAGAAATCAAAATTTTACCTCCTATAAAGCAAGTAGGGGGTCAATC
AAAAAAAAGGGTGTTAATTAATCAAAGGTCCAACTGATCCCCCGTCT

>trans_s_6196 XM_002863756|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

AGTTTTACCCCCAAAACCAACACGCGATCATAATTCATCAAGATTCAAAGAAGCCGTAAAAACTCACAGCGA
TACGTAATCAATTGTAATAGAGTTCCAGCCCCATGCCGTCATGAATCTCGTAATCCTTAAGAGTGATATGATCC
TTATAGATGTTATACCACTTCTGGATCCTGATTTTCTCAGCCCGGT

>trans_s_6197 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

GAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCACTCGTCTGTAGAGAAGCCTTCGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAG
CACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGA
AGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGT

>trans_s_6198 EF644094|Desmanthus fruticosus voucher Hughes 1532 tRNA-Lys (trnK) and maturase K (matK) genes, partial sequence; chloroplast

GCCATTCGCGAGATTAGAGATACACATTTCTATGAAGTAACAGATTCGTCCATACTATCGGTAGAGTTTGTAAGACCGCGACTGATCCTGAAAGGAATGAATGGAAAAAGCAGCATGTCGTATTAATGGAAAATTCTAGTAATATTTTACCTTACTTGCTTAGGCCGGGTCCACCCAGGCCTCCAGCATAAGT

>trans_s_6199 HM596917|Cucumis melo subsp. melo internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

CGTCTGGGGTTTTGCACGTCGCGAGCTGCTCGTAGCTCCTGAGCTTATTAAGCCATCCGCACGACGGTGCGTACGGGAGGCCAGTGTGTGTCCCTGCCTTCACAACGACCCCGCATGGGGAGAGTTGTGTGGTGGGGGCAGCGATGCGTGACGCCCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGGTGCCC

>trans_s_6200 DQ008654|Acorus calamus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGGCCAGATCTCCAACCTTTTCACAACTCAAATTCTTTGACCCTTGACCTCGTATGAAAGGTGTCGCCGAA CGACCAAAAAGGTAGTAGGTTAGGTGTTGTTTATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTT TCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTGAATATTGCTACTACC

>trans_s_6201 EU312159|Cucumis melo cultivar Madras 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TATACTTAAACTCAGCGGGTAGTCCCGCCTGACCTGGGGTCGCGTCGAGAGCGTCGTCCTTTTAAGGGGCGG CGTTCGAAGGGTCTGTAAGGAGTCCGTGAAGTCGACGTCGAGGTCGAGACGCGTCACCGAGGTTGAATCAA CCACCGTAGTGTGCGGAGAACCTTCCCCTCTTCGGCCTTCATTCAAGTCA

>trans_s_6202 EF471904|Medicago truncatula strain A-20 NADH dehydrogenase subunit 4L (ndhE) gene, partial cds; plastid

TACTTTTTTTTGTCGAATTGAATTGAATCTATTACATTTTTGTTTCATATTGAAATGAATCGGAATTGATAAGGAGT TGGTCAATCATGCTCGAACATGTACTTATTATAAGTGCCTATTTATTTTCTATCGGTATCTATGGATTGATCACA AGCCGAATATACGTTAGCCGGGTGCGAGAATGTGTCTCACAAC

>trans_s_6203 L46848|Glycine max acidic ribosomal protein P0 mRNA, complete cds

CAGAGTGCCGTTGTGCAACAGCAAACCTTACTAGGATCCGCAAGATACTCTTTAACCTTCTCAGCCTCGGGGAA GGAATAGTCAGTAGCAACTGCAACAGCAAGAAGGTTTTTGTATGCATTGATGAGCATGTGTGGTGCAGCAGC CAGAGTTGGGTATGAAATGGCCAATGAAAGGGATGTAACCATGGAAACA

>trans_s_6204 NM_001125653|Arabidopsis thaliana aconitate hydratase, cytoplasmic / citrate hydro-lyase / aconitase (ACO) (AT4G35830) mRNA, complete cds

CAGGCTCGGTGGTGATTCCAACAAGATCAATCCGTTGGTTCCAGTAGATCTTGTCATTGACCACTCAGTTCAGG TCGATGTGGCAAAAACAGAAAATGCAGTACAGGCAAATATGGAACTTGAAATTTAAACGAAACAGGGAAAAGAT TTGGCTTTCTGAAATGGGGATCGAGTGCTTCCACAACATGCTTACCT

>trans_s_6205 XM_001690599|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GGCGCGATTTTTAGATTAATTAGAAGTCCATTGTCCATTTTTTTTTCTTTGAAATTGAAAGGAGGGAAGGC
GAGGGCGAGGTTCTGTTCTCGTTCTTGTTCATAGGATCAGCTATTCCCCGAAAATGCTGCTTTTCTCGTTGG
GGTCCCAAATCAAATCGTCCTTGCGATTCTTCCTTCTTTTTTG

>trans_s_6206 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

CCAATATATACTTCGCCTTTCTTGTGTTAAACTTTGGCTCGTAAACACAAAAGTACTGTACGTGCTCTTTTAA
AAGGTTAAATTCGGAATTATTGGAAGAATTCTTACGGAGCAAACATCATAGGATTCGATCCTATTCTGTTGG
CCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCCG

>trans_s_6207 Novel Gene

GAAAGTCAGAATTTCCACGGAAGCCGGCTTGAAATATTTGATCTTAGGTGCATTTTCCTCTGGAATCTTACTG
TTTGTTGTTCCATGATCTATGGGTCTACTGGAGCTACCCACTTCGATCAATTAGCCAAGATTTTGACCGGATA
CGAAATCACTGGTGCTCGATCTAGTGGTCTTTTCAACACGGGGA

>trans_s_6208 NM_129558|Arabidopsis thaliana HSPRO2 (ARABIDOPSIS ORTHOLOG OF SUGAR
BEET HS1 PRO-1 2) (HSPRO2) mRNA, complete cds

AAAAATATAGAACCAAAGTCAACCTTTGTGTATTGACTGGGTCAACCCGAGTCGTCCTAAGTCTTCATCCGGGT
CCTCCGATCCGACCCGAAAACACTATGTAAATCCCCAAGAAACGTCTTAGCAGCATCTAAACTCGGAAAATAA
GTGGGTTCTAGAAATATCTGACTCAATGAATCCTCCGACCCACGC

>trans_s_6209 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

AAAAATAAAGTAAAAGTATAAATAAACCTAAGACACACACAGGAATCTGTCGATATTTCCGATTAAATCCTCTT
GTTTGTAGACGTTCTATAGTAAAAAATTGCTATTCTCTTTCTCCACAGAGAAACGTTTATTCCAAGTCACAACA
TATGAGCCGTTTAACCCGCGAGGGAGGGTCCCTTGGGGTGAGGA

>trans_s_6210 AY688828|Greeneothallus gemmiparus PsbA (psbA) gene, complete cds; chloroplast

GACCTGGTGACTCGACCCATGTAACATGCTACACCAAGTAAGAAGTGTAGAACAATTAGCTCATAAGGACCAC
CGTTGTATAACCATTCATCAACGGAAGCAGCTTCCGTTTATGGGTAAAAGTGCAAACCGATAGCTGCAGAAAGT
AGGGATAATAGCACCAGAAATAATATTGTTTCCGTAAAGTAGAGATC

>trans_s_6211 AJ715788|Lycopersicon esculentum mRNA for anaerobic basic leucine zipper
protein (abz1 gene)

AATTTGGAGGCAGATCTCCCTCTTCTATTGATCAAAAGCATCCAGCAGCCCCACGCCGGTTTATAATTTGATG
AGAAGGGCGTCTATCAATTTATTCCTATAATTTATGTTATGGATTTCTTCTCCTGCCCTCGATGCCTTTTC
TACCTCTATGCTCCTACCTCAAAGACTATGAAAAAGAAATCT

>trans_s_6212 XM_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

TGATTTAGTGGAAGTGTGGAATTGATGATTGTGGATTTCTAGCTTGGCTCCAAACTGTGAGTCGGGTTTAG
TGAAGATCAATCTTAATGGTTGTGTCAACCTGACCGACGAGGTCAATTCATCCATAATCGAGCACCATGGTTG
GACCTTAAAATGCTTAATCTCGACTCAACTACTCTCTCCACGAA

>trans_s_6213 Novel Gene

CGGTAGTGGCAAACGCAATTATAGCATCATAGATCATCGAGACTCAACGCACGTTTGTCTGAGCATCAGACTGCTGTGATGAACCCTTGCCATCACCGTTTGCCTTAATTAGCATCATAGATCATCGAGACTACCATACATGGGTGACGAGTCTACGACTCAGTATGTGTCTGTCCTCAAAGGTAACGACAAG

>trans_s_6214 GQ184149|Nelumbo nucifera 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGCGAGTCTATAGCCTTGCCGACAGGCCCCGGGTAATCTTTCTTTAAAGTAGCACTACCCCTATCTAGTAACGTTAACAACCAGAAGTTGCTGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATCGTGAATGGTCCCCACTTC

>trans_s_6215 XM_002880636|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ein3-binding F box protein 1 (EBF1), mRNA

TAAATTCACCTTGAATGACAGTAAGGTACATAGTGCCCAATAACAGCAAGGGACACATCGGAAACATTTAGCGCTGAAGCTTTACCTTATTCAAGGCACAAGTGTTCAAAGACAACAACTAGCAATCCCTGATCTCCAACGAGTGGGCAATCTTAATCACAATAGACTTCAGCTTGGTGCAGAACTG

>trans_s_6216 Novel Gene

TGCAAATACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTTAGTGAACCTCGGGGCTCACATTGTCGGTGCCATGGAGCTAGACCAGTGAGCTATTACGCTTTCTTCAAAGGATGGCTGCTTCCAAGCCACCTCTGGTTGTCATCGCTCGAGAACTTCCTTTTCCACTAAGTGATTGC

>trans_s_6217 NM_001054470|Oryza sativa Japonica Group Os02g0717800 (Os02g0717800) mRNA, partial cds

CGTTCGCTCGACAACTTGTCTGGGTCCATAAGCAGTGCAATGTTTTGTCCACATGGAGCACATATGAGCATCA AAGCTTCAACATATCTGCAACGATGAACATAGTCAATTTACCAGACTCGTAACTGTATCAACCATTGCAATAAG GAGGATACCTGACTTATGCCTGGGAATGACCTCTAGCGCGCCCCC

>trans_s_6218 Novel Gene

CGGCTTGCTGGTTTTTCCATCATCCAATCCACAACAAATCGAATGAAACCTGGCGAAAAAGAAAAAGAAGTTC ACACCTGTGCTCTGCTGAGGAACTCGCTCGACCCACGGAGCGGTTCTGTCTCACTCGTTTATGGGACAGCTA CGCCTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAACC

>trans_s_6219 AB244303|Cucumis sativus CsGRP1 mRNA for cell wall glycine-rich protein, complete cds

TCCCCATCATCTAAATCAATCTCTTACTAAACACACAAAAATGAGTTCTAAAGCCTTTGTTTTCTTGGCCTTCT TCTTGCCTTCGTTCTTCTCCTCTCGTCTCTCTCGAGCTTCTCTGAGGTAGGAGACCTCTCAAGACGGACAA TGAGGCCACGGTGGAAACCAATGGTGTGTCTTGTATTGGTT

>trans_s_6220 NM_001071968|Oryza sativa Japonica Group Os10g0567800 (Os10g0567800) mRNA, complete cds

TGGGGAAAGGACTTTTGGGGTGTGACGAAGCTTGACTTGATGGACAAAGGAACTAATGCTTTGGATGTTTT GGAAGGAAGATCATATCGACTACAACACCCATGGGTTGGCATAGTGAACCGATCTCAAGCTGACATAAACAA GAATGTAGATATGATTATTGCTAGACGCGTTCTCGCACTGTACTTTGT

>trans_s_6221 GQ997609|Nelumbo nucifera voucher FLAS:S.B. Davis 1076 RNA polymerase beta" subunit protein (rpoC2) gene, complete cds; chloroplast

CTGGAGGGGTGTCTCGAGTTTTAGCAAAAGCCGCCCTCCGAGGTCGTATCGATTGGTTGAGAGGTTTGAAAG
AGAACGTTGTTCTAGGAGGAATGATACCAGTTGGTACCGGATTGAGAGAATTAGCGCACCGTTCGAGGCAAC
ATAACAATATTCCTTTAGAACCCCCCCCCAAAAAAGGAAA

>trans_s_6222 Novel Gene

CGATGATCAGTAGCTGGTCCGAGAGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGACACGGCCCAGACTCCTACAAA
GAGCAGCAGTGGGGAATCTTGACAATGGGCGAAAGCCCGATCCAGCAATATCGCGTGAGTGAAGAAGGGC
AATGCCGCTACATTTGAGAAAGCAGCCTACTCAACACACCGAAAAACAG

>trans_s_6223 DQ078299|Oedogonium brevicinulatum 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCTGTCCGGGCCCATAGAAAAGAATAAAGTAGCACTACCCCTATCTAGTAACGTTAACAACCAGAAGTGTA
AGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACCGCCCGTCGCT
CCTACCGATGTCCGTTGAATTGTCCTGTGGATTTCGATATTCGATG

>trans_s_6224 EU557673|Solanum lycopersicum FAS protein (fasciated) gene, complete cds

AAGGCCCAGAAAGAAATCACTTCAAACAATTGAAATTCCTTCGTCTTCCCTCTAAAAGAAGAGGAAATAAAA
AGAAAAAACAATTCCTAATCGTAGAAGGAAGTGTGTCGAGCGGCAGTCGTCACAGTACCCGCAAAGT
GATATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGG

>trans_s_6225 AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein mRNA, complete cds

GCGCTAGGCCTCTAAGTTAAAACGTTAGTACAACCAAATAGTGGGACCTCGTTTCTGGTGACGAGCTTCTCTC
GGATTTCGTTTCCATACAAGGAAATTGAGAATGGAATGATTGTTGGAAGTTGAAGGAAAGTGGGTCGTTAAAG
AGCAGTTGATGTGGATATTGGTGCTACAGAGGTTGACCTCACAGCG

>trans_s_6226 AY792593|Cucumis sativus ethylene response factor 1 (ERF1) mRNA, complete cds

ACGGCTCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTCATTCTTTGGACTCTCTTGCTCC
CGGCTAGAGGACTCAACCGTGCTACTCTGACTCGGGCTCTGATTATTGTTGATGTTGTTAATCTTATTGTTAAG
GTTAAGAAGCTTATCGTCGGAAGGCAAAGGGAAATTGGTCTTGG

>trans_s_6227 BT025531|Arabidopsis thaliana At5g17560 mRNA, complete cds

CGAGAAGGAGGGTCCGCGGCGCTACGATCATCTCATGGTTATTTGCGGCTAACTATGGCATGATAAGTCCCT
CGAAACGTGTTGCCTTTGCCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGATTGCTCCAATGCCGTTTGCG
TTGGCATGCATGCGGGCACACTGCAGCACATCAGGCACTACCACC

>trans_s_6228 NM_129661|Arabidopsis thaliana nucleic acid binding (AT2G40960) mRNA, complete cds

TGACCCTTTCTTGTTGAGGCTCTCCAGAATCCTCGACATCGTCTTACCATTCTACGAATGGAAGTTGACATCCA
GAAGTTTTGAATAATCCTGACCAGCAGCTTTTTGAGTTCCAGCATTTTCCCACTTCATACCTTCGACTTGCTGC
TCATCGTGTGCTCAACTAATACGCTCTGGGAACGTCAAGT

>trans_s_6229 XM_002866197|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 23, mRNA

CAAGATGGCTTGCATCGTGTTCATTCCAACGGTTTTACAATACAGTTGTTGAGAAGTGGGATGGGATAAAAA
TGCCTTCTTCCGAGAATGGGTTCAGTGGTTGGAGAATATTAGCATCGGCTATGTTGCAGATGAATGGGATGA
AGAATATGATCTAGCTCCTTCCTTCTTCTCTTAGAGGCCCGGGTGT

>trans_s_6230 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF, atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

CGCTAGTAGACGTTGGCGGGGTGCCGAGCAGATCTTCCAATATGCTAGTTTCAACAACTCTCGTTCTTTACATT
TCTTCCTAGCTGCTTGGTTCTCGCCAGAAATGCGTAGAGATCGGAAAGAACCAACGGCGAAAGCACTCTGC
TGGGCCGACACTGACACTGAGAGACGAAACGATCAAAGACGAAGT

>trans_s_6231 X56733|T.repens mRNA for cyanogenic beta-glucosidase (linamarase)

AAGCACCGCTCAGACGTGATGAGCTCATATCAAAAGGCATCAAACCATATGTGACACTTTTCCACTGGGATGT
TCCTCAGGCTTTAGAATATACATATCAAGGCTTCTTGGGTCAACAAATTATAGATGATTTTCGAGATTTTGCTG
AACTTTGCTTCAAAGAGGGGTTCGCTCTGTAAACCGGTGAGA

>trans_s_6232 X62100|T.aestivum ND6 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase (subunit 6)

ACCGCGCTGGTTGTAATAGATCGACTTTCATGCTAGTTCTTGCTCCAGCATGTTTGTTCATTTACAGGGAAGGA
CGAGGTACCATGATACTTCCGTTTTGTCGAGCCTAGCTTTGGTCTCTGGTTTGATGGTTGTACGTGCTACCCC
GAATTGCACGGAATGGGGTGGGGGTGCTTCGACTCCCCATGGT

>trans_s_6233 FJ546463|Ribes nigrum GDP-D-mannose pyrophosphorylase mRNA, partial cds

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTAAACTCCTTGAGAAAGAACTCTTCATCCATGTTAGCCGTTGGATCTCAC
ATTGTAGGGAATGTTCTGGTGGATGAGACAGCGAAGATTGGTGAAGGATGTCTGATTGGTCCTGACGTTGCC
ATCGGTCTGTTGTGTTGTTGAGTCAGGAGTCCGGCTATCTCGA

>trans_s_6234 EU543694|Oryza sativa Indica Group cultivar Pokkali glyoxalase I gene, promoter region and 5' UTR

AGGGGAAATATCATAGTAAATCAGTCGAGTTATTTATAATGCACTCCTTCGTCGAACCTTTACATAAGCTACG
CCCTTCTTCATTGACTCCTTATCAGTCGACTTCTTCGCCCCGTGGGAGTCGAGTTATTTATAACCTCCTTTATC
GTCTTCTGGCTGATTATTGACGTTCTCTACCTCTGAAAGC

>trans_s_6235 GQ997418|Lonicera japonica voucher FLAS:M.J. Moore 312 photosystem II protein D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

CTTGCCAATCCATGGGTATACCATGAAGTTACAAAGGTTGTACCTGTAAACCAACCTCCGACGGCAAAATAGG
CACAAGGAAAGAGCAATAGACCGGACCAACCTACAAAAACGAAACGGTCCCTCCGTAACCAGTCATCCATAA
TACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCCGA

>trans_s_6236 GQ998564|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 ribosomal protein S12 (rps12) gene, complete cds; chloroplast

ACCCAACGGTAGGGACCCTTTAAGGGAACTGGAGCAGGCTACCATGAGACAAACAAAAGATCTTCTTTCTAAA
GAGATTCGATTCGGAAGCTATTATATGTCCAAGGTCCAATATTGAAATAATTTTCAGAGGTTTTCTTGACTACTTT
TAACGTTATTTTACTTATTCCTGAAACGGAAGCGGGGCACTG

>trans_s_6237 EF571296|Glycyrrhiza uralensis 18S ribosomal RNA, partial sequence

CATATATGGAAGGAAATTTTTGATTATTTGTATATTTATGTTCCCTAAGTAGATTATCTTGAGCCATGTATACA
TTGCCTTGGTCTAAGCTAAAAAAGAGTATTTAGAAAATAAGCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATA
CGAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCC

>trans_s_6238 AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

GCGCTAGGCCTCTAAGTTAAAACGTTAGTACAACCAAATAGCAAGACCTCGTTTCTGGTGACGAGCTTCTCTC
GGATTTCGTTTCCATACAAGGAAATTGAGAATGGAATGATTTGGGAAGTTGAAGGAAAGTGGGTCGTTAAAGG
AGCAGTTGATGTGGATATTGGTGCTACAGAGGTGATCAAGAACCCA

>trans_s_6239 X69731|C.laevigatus chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase
and promoter region

ATATATTCCTCAATAAATCTATACGAGATATATAGAAGTTACGATTGTCATAAAATACTATGGTCTAATAACG
AACCATTCTGATTAGTTGATAATATTAGTTGAGAATTTGTGAAAGGATTCCTATTTTCCCCCTGCCGGTATGA
TTAAGTACAGCTCATCTGGAACAACAACGCTCTTAAGAATTA

>trans_s_6240 XM_001694459|Chlamydomonas reinhardtii ATP-dependent DNA helicase
(CHLREDRAFT_173679) mRNA, complete cds

TCGCTTCTTCTCCACCAAGCACGGAAGTTTCAGGATAACTGTAGGTCGGTGGCTACCTAAGGAAACTCCGATT
CGATCCGCCCCCGGCTGGGAGGCATCTACCTCATCCCGATCACAAGGAGAGGTTACCATGATGGGGGTAC
TTCTTTTCCCTTCCGGAAAGAATGAAATGCATAGGGGACCATCCT

>trans_s_6241 AB014076|Brassica napus mRNA for serine decarboxylase, complete cds

GGCGATAAGGAAGCTTACATGGCTAGCGTCTTGGCTCGTTATAGAAAGAGTCTCCTTGAGAGGACTAAATATC
ATTTAGGGTATCCTTATAATTTGGACTTCGATTACGGTGCTCTAGCGCAGTTACAGCATTTCTCAATTAACAATC
TTGGCGATCCGTTCAATTGAATCATTAAATGCCACACGTAAGCTC

>trans_s_6242 AB254139|Takakia lepidozoides chloroplast petD mRNA for cytochrome b/f
complex subunit IV, complete cds

GGAATTCTTCGAAGAGAAAATGGATTATGGGAGTAACAAAAAACAGATTTGAATGATCCTGTATTAAGAG
CTAAATTGGCTAAGGGTATGGGTCATATAATAATGCCTCTTGGGCGTACCGGGTTACTAGAAAATATATAAAA
AGGTCATCAGTAAGATCCATGATAACGTACATTGCACCCGAATCGC

>trans_s_6243 U26025|Prunus serotina amygdalin hydrolase isoform AH I precursor (AH1) mRNA,
complete cds

GAGAACCTGTAGGCATCAAAACCTATACCCTTCATAATGGCAACATCTTCCCGATACCGATGATATTGATCAAC
TGCTACATCTGCATTACTACCATCATCAATTCTCTCTGGGTGTTGATGAGTATACGTATCCCATATACTTGGTCC
TCTCCATACTTAAAGCAGCACCTTTGCGCTGATGAGCAGA

>trans_s_6244 FJ358540|Gossypium hirsutum bHLH domain protein (bHLH1) mRNA, complete cds

CAGTTCAAGTAGCTTAACGGAAAATATGAGCACGATTCAACAATCCCATCATAAACAGAGCCAAAGCTTCTTA
AATTTCTCCGATTACGGCTTCGAGTCAAATCCCTCAAAGAACACCACCGCCACCGCCACCGTAACCACCAGCAC
CACTCCATCATTTCAAGCCGAATCCGGCGGGATGCTGAAAACCA

>trans_s_6245 AJ829634|Stauroastrum brebissonii, partial 18S rRNA gene, internal transcribed
spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, strain SVCK278

GGGAATTCTTTATTTTAATTACGAATAATTAAGAATCTCCATTTTTCAATTTCTTCATAGAATGGATTCACGAGT
TTAACTTCTTCGAGTACCAAGGACTCATAAGAAATAAAACCAAATTAAGCCGCAGGCTCCACTCCTGGTGG
TGCCCTTCCGTCAATTCCTTTAAGTTTCAGCCTTGCGACCAT

>trans_s_6246 AY968420|Schizopepon bryoniifolius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCAATCAAGTCAAGTAGGTGTATCTATTGAGAAGGACGAGAGTTCAAAACCCACAAAAATAATAATAATAATA
ATAAAAGTTTCATTGTGGGCACTTAACGGCACTCAATCCGCATCGGTCCATGCCCCAAGTCGATTGGCGGACC
GGCTCATCACCTGAGATCGGAGTTGAGTTGTCCCGGAATCTC

>trans_s_6247 AJ496433|Arabidopsis thaliana mRNA for extra sporogenous cells (ESP gene)

CCCTGCGGATGCTAACGCAAAGGGAACAATCTCGCATCATCTTTTGTGTTAATGTACTGAAGACGATATGTTT
GTTCCCAATATTGATTTCCATTGACTTTGTCAGCTGAATGATAAGTGAACGTCAACTAAAAGTTACTTACCCTG
TGGACTTTTTGTGGACGGGAACCTGGGTGATAGCGAACGAG

>trans_s_6248 HM594684|Solanum lycopersicum auxin response factor 6 (ARF6) mRNA, complete
cds

TGGTTCTTTGATCAAGTTTTGAATGACTTTCTAGTCAGATCCTTCTGCGTTTTGGATATTCAGTCTCATTCTCAG
CTTTAGACAAAGGTGCTATTGAGATATTGGGCCCTATGGTATCTCGTACACATTCCGACTCGGTTAATCTATC
CGCCTGACCAGAGGGGACAAGCCCACCCGCTGCCGCATTC

>trans_s_6249 X69731|C.laevigatus chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase
and promoter region

CATGTTGACATCTCTAATCTTCTGTATTTGGTGAATAAAATACTATGGTCTAATAACGAACCATTCTGATTAG
TTGATAATATTAGTTGAGAATTTTGTGAAAGGATTCTATAAAAGGTTTCATTAATACTAATTATCATGTCGAGT
AGACCTTGTTGTTGCGAGAATTCTTAATTCATGAGTTGTAG

>trans_s_6250 Novel Gene

ATTTTAAGGCCGAGCGCTAATATTCGCTTTTTCTCTTTCCAGATGGGAGGAAAAGAAGGGGGGAGGATAGAA
CCACTATACTATCACGGTCGACTATACTTAAAAATTTATCCTATTAAATGAAAAACATTAACCCATTATCCTCAT
CCTGGGCGGATAGCGGGAATCGAACCCGCATCTTCTCCTTGGC

>trans_s_6251 GQ917183|Glycine max cultivar Kefeng No.1 rubisco activase (RCA11) mRNA,
complete cds

AGACATAATCAAGAAGGGGAAAATGTGTGCCCTCTTCATCAATGATCTCGATGCAGGAGCTGGTCGTCTCGGT
GGCACTACCCAATACACTGTGAACAACCAGATGGTCAATGCTACCCTCATGAACATAGCTGACAACCCAACCA
ATGTCCAGCTACCTGGAATGTACACACAAGAGGAGAACCTCTGT

>trans_s_6252 XM_003061980|Micromonas pusilla CCMP1545 glycoside hydrolase family 36
protein, mRNA

TTTTCCCCGTACCAGCAGTCTCGCCCCAAGGGTCCGTCCGAAGGTTCAAGGAAGAACTCGACTCCCACGGGG
CGGTTCAAGAAAGTCGACTGATAAGGAGTCAATGAAGAAGGGCGTAGCTTATGTAAAGGTTGACGAAGG
AGTGCATTATGAAATAACTCGACTGATTACTATGATATTCCCCT

>trans_s_6253 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ACTGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCAAGATGAGTGCTCTCCTCATAAATGGTCTTTTTCGTAGAA
ATAGTATTCTTGCTTTTTTCGATGATCCTCAATACAGAAGAAATAGTTCAGGAATTACTAAATATGGGACTATA
GGGGTGCATTCAATCCTCAGGGGGGAGGAGGGGACCAAGTGC

>trans_s_6254 GQ998079|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 ATP synthase CF0 subunit
IV protein (atpI) gene, complete cds; chloroplast

CCTCCTCGGGACACCCCAAAGGCGACAGATCTTTTTCGACTTTTCGGAAATATATTAGCTGATGAATTAGTAGT
TGTTGTTCTTGTTTCTTAGTACCTTTAGTAGTTCCTATACCTGTTATGTTCTTGGATTATTTACAAGTGGTATT
CAAGCTCTTATTTTTGCAACAAACTCATGAGAATGCGCT

>trans_s_6255 DQ008642|Thottea tomentosa 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAAAGGTTCCCATGTGAACGGCACTTGACATGGGTTAGTCGATCCTAAGAGACAAAAAGGGTTTTGAGAGT
AATCGCGACAGCGCAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGC
AACCATTCCCTAAAATTCTCATGGCCGCCCCCGAGCCCTTCTTGGC

>trans_s_6256 AB199766|Pinguicula immaculata genes for 18S rRNA, ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 26S
rRNA, partial and complete sequence

TACTTGAGCAAATCGAATGCTATCCCAGAGTTCTCCTATTTCTATACGTCTTTCTTCTAAGGTGCTTTTCAACAA
CTTTCTACTTTTTGCAATTTTGCAAGAGACCCTTACTAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTC
GCATCGCGTCCTCCATGCTATCCCGTATCGCTCCATGTG

>trans_s_6257 DQ535740|Baijania borneensis ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase
large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

AATATAACGAATATGCGCTTATCCCCCTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCCATTG
TGGGTAATGTATTTGGATTCAAGGCTCTACGTGCTCTACGTCTGGAGGATTTGCGAATCCCTACCGCTGCGCG
GCCCCAGGGACAAGGGGGTGGAGTACCATAGGTCCAACCCC

>trans_s_6258 GQ998520|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

CTACCATATGTGTATTATGTATACACAGCCGATTGAGCAAAAATGAGTGGATGGTTAGAAACACCAAGATATA
CAAAGGATTAGTAATGGAGATTTTCAAATTATCCAAAACCAAAAGAGAGAGAAGGACCGGGGGGAAAAAT
GCATAATATAAAAAGGGCCGAAATTGGGGCCCCCTTTTGTTC

>trans_s_6259 AY050367|Arabidopsis thaliana AT3g19760/MMB12_21 mRNA, complete cds

ACAACAAGAAAAAGACACAAAACCTCAAGTGCAAAGCATATATTAACACAATTCTTCCACAGCATACAACAG
CAGGCAGGCAGCTTCAAGCAAGCGTTAAATCAAATCAGCAACATTCATGGGCATCTCGTCAATCTGGGTACTG
TAGTATTGCTCAATATCTCTCAGGATCTTGATGTCATCGCTTT

>trans_s_6260 AF314925|Phaseolus vulgaris NADH glutamate synthase precursor, mRNA, complete
cds; nuclear gene for chloroplast product

TGTACCTGGACGAGAACTAGCTGGAGTCCATTTTGCCATGGAATTTCTTCATTCAAACACGAAGAGCTTGCTTG
ATAGCAATCTCCAAGACGGCAACTACATTTCTGCAAAGACAAGAAGGTAGTTGTGATTGGTGGTGGTGACA
CTGGAACAGATTGCATAGGAACCTCTATAAGGCATGGTTGCAG

>trans_s_6261 GU219479|Brassica rapa pseudo-response regulator 7b mRNA, complete cds

AAAATCCACTGTCCATGCGCAGGACATTCTGCAAATACAACAACAACAGCAGCCTCAAGGATCTATGGTCTGC
TGGGAGAGATTTCTACATCTTAGGTCTCTGAAGGTTCTGCTTGTGAAAATGACGACTCCACTCGCCATTTAGT
CACTGCACTGCTTCGTAATTGCAGTTATGGGACGGCCATTTA

>trans_s_6262 AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

CGGCCTCTAAGTTAAAACGTTAGTACAACCAATAGTCTTCCCTCGTTTCTGGTGACGAGCTTCTCTCGGATTC
GTTTCCATACAAGGAAATTGAGAATGGAATGATTTGGGAAGTTGAAGGAAAGTGGGTCGTTAAAGGAGCAG
TTGATGTGGATATTGGTGCTACAGAAACAACCAAGAACAACAA

>trans_s_6263 GU397109|Begonia polygonoides voucher Royal Botanic Garden Edinburgh
20000756 tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds;
chloroplast

CCGATCTAATTAGACGTTAAAACTATAATAGTGCTTGATGCGGGAAGGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCAT
TTTTTCTAAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATT
GATAAAGAGGGGGGGGAACCCCGACCCCTCTATCGGGGGGA

>trans_s_6264 GQ998664|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 2 protein (ndhB) gene, complete cds; chloroplast

GAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCGTATTCGTCCATCGGTCAAATCGGATATG
TATAATATGGAATAATTGTTGGAGACTCAAATGGTGGATATGCAAGCATGATAACTTATATGCTCTTCTATATC
GCCATGAATCTAGGAACCTTTGCTTGCAATTGTATCATTGG

>trans_s_6265 AY103752|Zea mays PC0092520 mRNA sequence

ACAGAAGATTGAGAAGCATGAGCTACTTGAAATGAGACGGGTTGCAGCCTACATCTACAAAAAAGCCGGAAG
ATGGAAGCAATCCATTGCCTTGTCAAAGAAAGACAATCTCTACAAAGATGCAATGGAGACAGCATCACAATCT
GGTGACCGTGAACCTTGCTGAGGAGTTGCTTGTTACCTGCACT

>trans_s_6266 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GCGAAGACTCGCTTTCGCTACGGCTCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTCAT
TCTGTCCGTAGGTTATGAAATAACTCGACTGATAAGGATCAAAGAATGATCTCAAAGCGGTCCCCTCATTTTC
AAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCCAC

>trans_s_6267 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete
sequence

CCTAGGGGCGCGAGACAAAGAGAGAGCCTTTTTATATTAGAAACCCATTAGAAAGAAGGGACAGTAGAAATC
ATACAGAAATGCTAGACTCGAAGGCCCTGAAAATGCAATGAGGTGTTTCGAAAATGGTTGAAGTTAGTTGAAT
AGGAGGATCACTATGACTATAGCCGGATTGCTATTTGCCAAGCCA

>trans_s_6268 X54694|*Beta vulgaris* subsp. *vulgaris* mitochondrion DNA for repeat II (partial)

AGTTGGTGAGCCGTATGATGGGCAACTATCTCCTGCGGTTCGGAGAGGACTCAGCTCTGAGTTAGTACCCCT
TGGTTTCGGGGTGGACCCTTTCACCTCTATTTTATTATATACGCTTAGTGAAAAGAATGTTTTTTGATACACCTAG
GACATGGATTCTATATGAACCAATGGATCGTGACACTCTAC

>trans_s_6269 NM_118299|*Arabidopsis thaliana* TOM1 (TOBAMOVIRUS MULTIPLICATION 1);
protein binding (TOM1) mRNA, complete cds

AGGGATAACAGGCTGATCTTCCCAAGAGCTCACATCGACGGGGAGAGATCCTTGACGACGACCATGGAGAT
GGGAGTTACGGCGACCAGCTGGTGGAATGACATCAACGAATCTACTTTTTGGCAGGATCGGATTTTCTACTCT
CTTTGTGCTGTATATGCGCTAGTCTCCGCCGTTGCTTTGATTCA

>trans_s_6270 EF590391|*Corylus avellana* cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)
gene, partial sequence; chloroplast

TTATCCTGACGTAGGTATGCTTCTGACCTAGATCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTT
AAAGAATAAAATATGAACTTCATACACCTTAAAGGGGCTGACTCGTTTTATGCTTAATTTTTAGCTGAGTCCC
TGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATAGG

>trans_s_6271 AP010820|*Keteleeria davidiana* chloroplast DNA, complete sequence

CACGTCGGGGGGTGGACAAGCGTAATTCCTCCTAGACAATAAAATATGTTGACATGAGGAGGAACGTATTTA
CTAGTTATATCATCTGCAATCGCCTGAATTTCAAGACGTTTCATGTACGTCTCCCTGTTGAAGGTCGTTGAG
CTTTTCCTGGGAGTATGGCATGGGTTACTTCAGCGCCGTACGC

>trans_s_6272 AF017161|*Fagus sylvatica* 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAGGCCCAGAAAGAAATCACTTCAAACAATTGAAATTCCTTCGTCTTCCCTCTAAAAGAAGAGGAAATAAAA
AGAAAAAACAATTCCTCTAATCGTAGAAGGAAGTGTGTCAGGCGAAAATCAATACACCTCCTTACCGACAG
CTACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGT

>trans_s_6273 X69917|*B.corolliflora* midly repeated DNA

TAGCGAAATTCCTTGTCGGGTAAAGTTCCGACCCGCACGAAAGGCGTAATAGCTCAAATGTCACTCTGGTAGAG
AGTTTAACAGGGCCGCGTCGCATACAGTCTACGCGTACGTTTATAGTGAAGTGGAAGACCCCGTGGAGCTTT
ACTGTAGCCTGATATTGAATGTTGGTACAGCTTGTACCAACGG

>trans_s_6274 NM_001053952|Oryza sativa Japonica Group Os02g0613000 (Os02g0613000)
mRNA, complete cds

AATTCCTTAGACAACCTTCATGAAGAGATACTTATACTAGAGTTTTACATTATGACTTCAAATCACAAGGAAGC
ATATCAGTCAAAGACTTTGCACTATCAATAGTTGCTTCAGCAGATATAAATCACATAGACAACTACTGGACAG
AGTTGAAGCATTAAACAAAGAACCCCATTTCAAAAACATCA

>trans_s_6275 NM_099991|Arabidopsis thaliana PDH-E1 ALPHA (PYRUVATE DEHYDROGENASE E1
ALPHA); pyruvate dehydrogenase (acetyl-transferring) (PDH-E1 ALPHA) mRNA, complete cds

TGGAGATCAGGACGACAAAAACGAAGATGAGCATACAATTGCAAGCTGAGGTCATCTGGTGATATTTTCCTG
CTTAATTACATATTTGTTGTATCTTTTTTTTCCAGTGCTTCTCTCCATCCTTTACTTTAGGCTCTTAGCAAAGAT
AGGCCATAAATTCTTAGCTTTCATAAAAAGAAATCAATAT

>trans_s_6276 XM_002304291|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 16 (CPK16),
mRNA

GCCTAATTCCCCGCGAGGGGGGGAGGGGGGAACCAAAGAAAAGGCTTACTCCATCACAATATAAACATATG
AGTCATCCTCAAATGCATTATGGAAGTGAAGTACATTCTCATGGCCGTAAGCTCTTGCAATATCTTGACCTCTC
TCTTAACATCCTCGACAGCAATGGGAAGAATCATCTTATTCT

>trans_s_6277 AF008952|Datisca cannabina 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

CGCTGACCGCCCGGGTAATCTTTGAAATTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACG
AGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACCGCCCGTCG
TCCTACCGATGTCCGTTGAATTGTCCTGTGGATTTCGATTATC

>trans_s_6278 EF207456|Ribes americanum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAACCTAAGAGACTCCCGAATTTGGAGTATCCTACTTTCACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGGAATCGATATT
TCACGATCAAGGGTGTAGTACTATTTGTAGTAGCGGTCTTATATATCGTATTAACAATCGAAAGATGGTCGA
AAGAAAAAATCTCTATTTGACAGGGTTTCTTCCTATACCTAT

>trans_s_6279 EF469873|Helianthus annuus RFLP probe ZVG14 mRNA sequence

CTGACCCTAAAATGTAGTCATAACACATGAAAGAATCATCAAGCGCATCGTGTAAGCCCCGCGGCGACCAC
CGTGGAATTTGCACCGATTGTAGCAAGAAGCATCGCTGTTTCCACACAATGTTGTAAATATGGATCTCCACTG
GCTCGCATCTGAAAAGAAAGAATACTGGTAGGAGTCTGGGCCG

>trans_s_6280 NM_001062345|Oryza sativa Japonica Group Os05g0470800 (Os05g0470800)
mRNA, complete cds

TGTATCCCAAATCATGATACTTTGTTGAATACAGACCAAGAGAAAGACCTAAAGACCGCTCTTTGTATGATGA
AAACTCCAACCAATCTTGGGAAAGTAGGGATAGTCGTGCCACCAAAGGAGTCACCAATCGCTTCAGCCTAGG
GAAATAAACACCAGCACTCACCTCAGATGTTTGATTAGGACCGT

>trans_s_6281 X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

ATGCAAAGGAACCGGTGAGACCATCAATGATAAAAGCGATCTGCTCACAATGCAAGGGTGAAAAGGTTGTTG
AGGAGAAGAAAGTTTTGGAAGTTATCGTGGAGAAGGGTATGCAAAATGCACAAAAGATTACATTCCTGGTG
AAGCAGATGAAGCGCCTGACACTGTTGTCAAAAGCATTGTCTTT

>trans_s_6282 AJ492725|Ilex hippocrateoides plastid partial rbcL gene for ribulose-bisphosphate
carboxylase, 3' end

TCTTGCCCGTCGATTCTGTAAGCGGCCCTGCCGTTCCACAAATGGAGCTGTACTTTCTGCTACGAGCTTGAC
ACATGCTTCTAGAGCTACTCGGTTAGCTACGGCACCAGGTGTGGGCAAACCTTTGTAAACCTGGAAGAATA
ATCCGTGTAGTACAGAATCATCTCCAAAATCTCGGTTAGA

>trans_s_6283 NM_001054826|Oryza sativa Japonica Group Os02g0777700 (Os02g0777700)
mRNA, complete cds

TATTATCCCTTATTAGGAGTGCAACTCATGAAATTCCACTAACCCGCTTTGAATATGGATTCTCAAATTCTTTG
ATAAGGAATTCGCTTCGCCCCCTCCTTCCTAACCTCAGTCGAGTGGCTTCGCTCCTCTCCTATATTTTTTCTAC
GAGTACCTTCGCTCTCTTCCTTCCTAACCTCAGTCGA

>trans_s_6284 BT005355|Arabidopsis thaliana At5g66675 mRNA, complete cds

ACAAACCTTTAGATGGGAGGACAATCTAGCAAAAGCAAATCAGGTGGTGGCGATGTTTCTCTCCTCCACTTC
CCATCAATGATGCTCACTATGCAGCTGCCCTTAGTTCATATGAAGCTGAGTGTGCAAACAATCCAGATTACGA
TCCTTTGATGTTCAAGTGACGAAAGGACAGGTTAGATCTC

>trans_s_6285 XM_002871334|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata succinate dehydrogenase 3-1
(SDH3-1), mRNA

GGAGCGAGAGAAGAGAAAGATCAGCTAATAGCATGAATATCCTTCGCCCCGTTATCTCCTCATCTTCCTATTTAT
AAGGCACAGCTGACTTCGACGTTTTCAATTTCCATAGAATCTCCGGGGCTTTCCTAGCAACTCTCGTTTTGTTT
TTTTATCTTCTTTGTCTGAAAATGGGTTTGATTGAGGA

>trans_s_6286 NM_001071129|Oryza sativa Japonica Group Os10g0413900 (Os10g0413900)
mRNA, complete cds

GATCTCATCTATTTGTTACAAAAGTCTCCCCAGTTGGTAACTCTGACCAAACCTGCCTGCTCCTAACTGACGATT
ACCTCAAAAGAGTTTGCCCCAGCTCAAAAAAAGAAAGAGGCACTGAATGTCGGGTCACGTGGCAGCCGAGGT
CGGCCTTCCTATAGATGGTCTCATTGATTTAACCCAGCATA

>trans_s_6287 NM_202760|Arabidopsis thaliana PIP1;4 (PLASMA MEMBRANE INTRINSIC PROTEIN
1;4); water channel (PIP1;4) mRNA, complete cds

ATTATTTACAACAACGAGAAAGCATGGGATGATCACTGGATATTCTGGGTGGGACCTTTCATCGGAGCTGCTT
TGGCTGCTATTTACCACCAAATCATCATCAGAGCCATTCCATTCAAGGCCAGAGCTTGAAGATCAGAAGAACA
GTTTCAAATTCTTAATATCATTATTATCATTTCTGTTGGC

>trans_s_6288 AM040267|Capsicum chinense partial mRNA for Phi-1 protein

CCAGTAATGTCGTTTTAACAGCTTCTGATGTGACTGTTGATGGGTTCTGTATGAGCCGTTGTGGAACATCATGG
GTTTGGTTCTGCCGTCCGCGTGGCAGCGCTGGAGTCAAAGGGAAAAATTATAAATTTGCTTACATTTGGGTT
GGAAATTCCGAGACGAATCGGGCGGTAAATTCTGTCCAAAAT

>trans_s_6289 HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)
mRNA, complete cds

AAAAAATCTTCTCGATTTCTCTTCTCACTTCCACTATTTTCAATCATTCGACCTGTTTCTCCTTCAATTTACT
TCCAGGAGCTGGATATGTGCAGTGGCTCTAAGAATAAAGTTGCTTCCACGAATCCGCCATGGAAGCTAGGTT
TCTGAAGCTTAGCGATGGGGGTTTATTTTCTGGGGGAA

>trans_s_6290 FN908117|Vitellaria paradoxa subsp. nilotica chloroplast partial rpl32 gene for
ribosomal protein L32 and rpl32-trnL IGS, specimen voucher

ACCCCTGGTCTGGGCTAGGCTGTTTGTTGAGTCAAACCAATTCAGATTATTCCAATCTTTCAGTATTTATTTGAT
TTGTCCCCCAAAAACTTTGGGAATTACCCGTTGAAAGAGATTTTGCTAGCGAAAAAGCTTCAACGCTGCCC
GACGCCCTTTGCTTTTCAAATAAAAAAATCCGCCGAAA

>trans_s_6291 AY738712|Digitalis thapsi progesterone 5-beta-reductase gene, complete cds

GAAAGAACTTCTCATTCCTCCGATCGATCTAATTCCCTTTCGGCTAGGGCCTCTCTCTCAGTTACCTCTTTTTCAG
GTAAATCCTTTCTACGAACCCACTCAGGATAGCTTCCCCTTACTCAATCGAGACGGATTCTCAGACTTTGGTCT
CGTCTAGTCTAACCGTAGGCTTCTCTTGATTTTCTA

>trans_s_6292 NM_116702|Arabidopsis thaliana ATPC1; enzyme regulator (ATPC1) mRNA,
complete cds

GCTGTTGTTAATGGAAGACCATTCTCTGAAGCCTTAGTTGAAGTCCTTTACAACATCAATGAGCAACTTCAAAC
AGAAGATGTTGATGTTCTTTAACCAAAGTAAGACCTGTTAAGAAAGTTGCATTAGTTGTTGTCACTGGTGATA
GAGGTCTTTGTGGTGGTTTCAACAATACCATCATTACTTG

>trans_s_6293 NM_124704|Arabidopsis thaliana AGP22 (ARABINO GALACTAN PROTEIN 22) (AGP22)
mRNA, complete cds

GCACACGAGCCCTCCGTGATTAAAAAAAACGCTACATATCGAACCCTAAATCATTGATTAAATACAAAAGTT
GTCAATGGATGATGTAGGTAATGGCGAGAGCAAGCAGAAGAAGAACGTACGCAATCCCTTGGTCAATTGCAG
CTCCGTCGTTAGAAGGACCTTCCGCCGGTGAAATATCGTGGA

>trans_s_6294 AB182918|Citrullus lanatus CLMT2 mRNA for type-2 metallothionein, complete cds

TGGATGCGGCTCTGCCTGCGGACATAAGGGCAAATGTGAGAGGATGCAAGAGTTTCCCTGACTTGAGCTTCT
CAGAGACCACTGCTACGATCGAGACTTTCGTAGTCGGTTTCGCACCTCAGAAGATGTCCTACGAGGTAGCAGA
GATGGGAGCCGAGAACTTAGTCACTGATAACAGTGTGACCAG

>trans_s_6295 M20952|Liverwort chloroplast Gly-tRNA-tcc

CGAGCGCAGACTAATCGATCAACCCGCGGATATAGTTTAGTGGTAAAACCCTAGCCTTCCAAGCTAACGATGC
GGGTTCGATTCCCGCTATCCGCTCCAACCAGGGGGCCGTTTGCCGTGGGGGACGGGCCGCTTCGCCCGGGG
GCCTGCGCTGATCAATGTCGCTGCGCTGTTGGAGCGAACTTT

>trans_s_6296 FJ078208|Pinus taeda isolate 4368 anonymous locus 0_6592_01 genomic sequence

CGTAAGGGATCTATTCTCATGATTATTGGCTGAGTTCAAATCAAAGAAAGGTTTTTTGACCTACTTTACAAATTT
AATTTTTCCCTTATCCCTTATATCATAGCAATAATAGGGGATTAATAACTCAATCAAATCAAAAGAAATACAATT
ATCTTCAAGAACAAAGTTGAGTTTTCCCTTCTCCTGA

>trans_s_6297 AF332957|Lycopersicon esculentum fructose-1,6-bisphosphate aldolase mRNA,
partial cds

AAGAAGTGTGCTGACGTAAGTGAACGTGTTCTTGCTGCCTGCTACAAAGCTCTAAATGACCACCACGTTCTCCT
TGAAGGAACCTTGTGAAGCCCAACATGGTTACCCCTGGATCTGAAGCTGCCAAGGTTGCCCCAGAGGTGATT
GCTGAATACACTGTTTCGGGCTCTACAACGTACCGTCCCTG

>trans_s_6298 U90212|Nicotiana tabacum DNA binding protein ACBF mRNA, complete cds

AAAGAAAGCATCTGGATATCAACAAGGTTACGCTTCGCAAGCTTTGGTACTGGCCGGTGGACATCCCAATGGC
ATGGCTGTTTCAGGGTTCACAATCAGATAGCGAGTCAAACAACACAACACTATATTTGTTGGTGGCCTCGATTCTG
ATCAATCACTACTTCTAGAGTTCGATCGAAAGAGATCATTT

>trans_s_6299 AY260019|Grubbia rosmarinifolia 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTCTTCCCGAGGCCCCCGCCGACGTCTCCGGAATCCCTTACGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAA
TTTTAACCCGATTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTGTTGCGCGGCAGAGACCCCAAAGGGGGCAGAGATAGGATC
GACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCC

>trans_s_6300 EU922579|Pelargonium cotyledonis RNA polymerase beta subunit (rpoB) gene,
complete cds; chloroplast

TTTTGCCTAGAGAAGATATGCCTTATTTGCAAAATGGAAGACCTGTTGATATGGTTTTCAATCCATTAGGAGTC
CCCTCACGAATGAATGTAGGACAGATATTTGAGTGCTCACTCGGGTTAGCGGGGAGTTTGCTAGATAGACGC
CGCTAGGCGACGTTCCCCAGCAGAGAGCGCAGGTACTCTCG

>trans_s_6301 DQ098654|Lycopersicon esculentum xyloglucan endotransglycosylase/hydrolase 16
protein (XTH16) mRNA, partial cds

GTGTCAGACGTGTTACGCAGCAAGGCTAGTGGCGGTGGTGAACACATTCAACAGGCGTTACAGGGAACCTAG
CAGTATCAGTACAATAATCATAAATCATATGGTTGGCTCGAACCCTAAAGCAGCTGATGACTTTGATGCACATTT
AACTCTGAAAGCACCGGCTCATCCCACCAGAACTTCTTACC

>trans_s_6302 EU583459|Populus trichocarpa histidine kinase 3B (HK3B) mRNA, complete cds

AAGCCTTGGGAAGTATGTGTGATGAGAGAGCTAGGATGCTTCAAGATCAGTTTAATGTTAGTATGAATCATAT
TCAAGCAATGTCCATTCTCATCTCTACCTTTCATCATGGCAAGAACCCATCTGCTATAGATCAGAGGACCTTTGC
GAGATACACGGAAAGAACTGCTTGTAGAGATGGAGCGCA

>trans_s_6303 X17062|S.alba 18S and 25S rRNA genes

TATTGCCCGTGGTATCTAATGTCCAGACCATTTGATGGTTGGATGTTTCGTTTTGAGGGCATAGAGTAATACAC
AGGTCTTTGCGACACAGTTAGCTTATATAAACAAGCTTTTACCGGGAACTTACCAGGTCCAGACATAGTAA
GGATTGACAGACTGAGAGCTCTTCTTGATCTCGCAAACA

>trans_s_6304 EF207271|Hibiscus dongolensis maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GATTAATCTGCAATTTTGATATAATCACGAACTACGCGGAGGAGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATTTTT
TCTAAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATA
AAGAGGGGGGGGAACCCCGACCCCTCTATCGGGGGGGGA

>trans_s_6305 XM_002958627|Volvox carteri f. nagariensis NADH:ubiquinone oxidoreductase 49
kDa subunit (nuo7), mRNA

AAGCATCGAGCGAATGAACTATCCATGGAATCCTTAATTCACCATTTTGAACCTTTATACAGAAGGTTTTCTG
TACCAGCTTCTTCTACCTATACCGCAGTGGAAGCACCTAAAGGTGAATTTGGTGTCTTTCTGGTCAGTAATGGA
AGCAATCGTCCTTACCGTGTGCCCATAACTGTGGACCC

>trans_s_6306 Novel Gene

AGGCGCGATATATAGTAATAATGATTTTCGAGAAAAGAAATAAGGTAAGGGTTCATAGAATTCAAAAAGAAGG
TTTTAACTTAATCAACTAATGTCATCGTTTCAATGTCTTATTAAATTTTTAATAAAGAGTTTCAGTTTACTATTG
CTCTTCTATATTTTCGACGGTAAATTCTGTCTTTCCGAAA

>trans_s_6307 EU016746|Anethum graveolens 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial sequence;
chloroplast

AATAGTAGGGGGCTTCGGGGGAGACCATGCGCGCGCATCTAGGGGAGATTCCCGAATAGGTCAACCTTTCA
AACTGCTGCTGAATCCATGGGCAGGCAAGAGACAACCTGGCGAACTGAAACATCTTAGTAGCCAGAGGAAAA
GAAAGCAAAGCGATTCCCGTCTGCTATTATCTATCCCGTTTC

>trans_s_6308 GU397109|Begonia polygonoides voucher Royal Botanic Garden Edinburgh
20000756 tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds;
chloroplast

GATTAATCTGCAATTTTGATATAATCACGAACTACGCGGGAAGGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATTTTT
TCTAAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATA
AAGAGGGGGGGGAACCCCGACCCCTCTATCGGGGGGGGA

>trans_s_6309 FN563075|Oltmannsiellopsis viridis plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile
gene and 23S rRNA gene (partial), strain NIES-360

AAGCCACCTACAGACGCTTTACGCCAATCATTCCGGATAACGCTTGCATCCCTAAGTAGATTATCTTGAGCCA
TGTATACATTGCCTTGGTCTAAGCTAAAAAAAAGAGTATTTAGAAAACCTTGACCTGTAGACCCTGTTCAAGTC
TACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTG

>trans_s_6310 AF487252|Neillia uekii isolate 168 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE) genes,
complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

CGCCCCAAGCTGAAGGGGACCCCCACGGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTG
GAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCCGAGCGGTCGGCAAAAGTAAGTCACGGGCCTACCAATGGCGCACTC
GTGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCAACCCGAACGCACA

>trans_s_6311 AJ879118|Capsicum chinense mRNA for polyubiquitin (ubi gene)

GGCCAAGATCCAGGATAAGGAAGGTATTCCCCCAGACCAGCAAAGACTTATCTTCGCCGAAAGCAGTTGGA
GGATGGACGAACTCTTGCTGATTACAACATCCAGAAGGAATCTACTCTTCATCTTGTCTCCGACTCCGTGGTG
GTATGCATACCCCCACTGGGTGAGACACCGGGAAGTGGTAG

>trans_s_6312 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

ACTTCCCATGAGTAGTCCGGGCGTATAGTGAAACGCCCATGACACCTGTGTGAAACACGGTGAGGAAAGTAA
ATATGAAATTCGCGCTAACGATATTATATATGAACCTTGACCCTTTAAGACAGATCGATCTTAAGAAGATCAT
TGCTTACTCTCAGTAGCCCATATGAATCTGGTGACTATTG

>trans_s_6313 AB263748|Ipomoea trifida DNA, self-incompatibility (S-) locus region, haplotype:S1

AAGTACTTTTTCAAAAATCACTATACGCATCTGTTTATAAGAAGAAGGGTCTGGTTGTGTTGGGAAGAACGAA
CAAAATTCCTAATGTATTGATTGTATGTAGAATTATGGTGTGCTTTTTTTTACATTGAATGACAATATTTTACA
TGAATACAAAATTC AACCTCCAAAAGAAGAAAAGTGAG

>trans_s_6314 X54463|L.laricina mRNA for ribulose biphosphate carboxylase (LLRBC4C)

GTGGCCGGCGAATCACTGATCAAAGAGCGAGCTGCCGCCAGGTTGAATGATTATTTGGTGGGATCCACAGAT
GTAGTGGCTGGTGAACCCCTTTTTCTTCTCCACGAAGATTCAGACAAAACCGAGCTTGGATGGAAGTGAACA
AGATTTGGCAAAAAAACCAAAAGTCAAAGGCTTGATTAGGT

>trans_s_6315 X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

CAATGTCCATCCCATGCCTTTCTTGTTGAACCAACCAACCGCGCATTTCCGACAAGTCTTTCTTCATTTTTCTT
GAAAGAAGCGGAAGTACTCAAAATCTTTGAGCCTTATGGATAACCAATTCATTTTCAAATATAGTTGGGAG
ACTCTCCCCAAAAAATGGGTCAAACCAACAGTCAGAC

>trans_s_6316 X51690|V.faba mitochondrion coxIII gene

CCTTGAAGGTTTCCCCCCTTACCCCCACCCGCTAAAGTGGTAAAGAAGGGCTCTTTGGGGTCTCATTTTCTTT
CTATCTGACAGGACTCAAAAATAGGAAGGGATGGTTCTTTCATTGCATTGATAGAAGTCTAACTAGAAAAAGA
TCTCGTTGCTTTGACCGAGCCAAGGCATCCTTAATCTT

>trans_s_6317 XM_002866298|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATEXO70H7, mRNA

CCCCCTTCCCACTCCATCCTATGAACATGATGATAATTGGTTTTCGCAACTCCAAGATTATACAGACCTTCCTCA
ACAATCGATTTCTACCAACAACATAAATCTTCACACACTCTTACCATAACCAGCAGAAATCATACCTTCCGCA
ATGGATTTCAAATCCTTAATAGCCGATCTCGAAATC

>trans_s_6318 Novel Gene

GGCTGCTCCTCCAGTAGATATTGAAAAGCAAGTTCAGCTTCTTGACTGGAATCGGTTCCCTCGATCCAGCCAAA
ATTTTACTCAAAACCTTGCGATATCGAATTCTCCAGCATCACTCGTCTGAGATTCTTGCTTTTGGATTCTCAGGC
CCTTCTATTGCTGGTACATTTTGAAAACCTTGTTGAAA

>trans_s_6319 CP000588|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 8, complete sequence

>trans_s_6320 U53418|Glycine max UDP-glucose dehydrogenase mRNA, complete cds

>trans_s_6321 AJ307662|Oryza sativa genomic DNA fragment, chromosome 2

>trans_s_6322 XM_001751916|Physcomitrella patens subsp. patens MscS-Like mechanosensitive ion channel MSCL13 (MSCL13) mRNA, complete cds

>trans_s_6323 BT008446|Arabidopsis thaliana At5g25460 gene, complete cds

>trans_s_6324 X86563|Zea mays complete chloroplast genome

>trans_s_6325 AB588747|Vigna unguiculata VuEF1b mRNA for elongation factor 1 beta, complete cds

>trans_s_6326 AB500090|Hordeum vulgare Lhcb1 gene for light harvesting chlorophyll a/b-binding protein Lhcb1, complete cds

>trans s 6327 Novel Gene

TAATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAATAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGA
GAAAACAAGAAATTGGTTATTGCTCCTTTACTTTCAAGAACTCGTATACTAAGACAGAAGTCTTATCCATTG
ATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGGGAAG

>trans_s_6328 AF043554|Nicotiana tabacum hairy root 4 (HR4) mRNA, complete cds

TGGGGAGGGAAATTGAGTACCGAAGTTCCGGATTTCACTGCCAAGAAAAGCCTCTAGTTAGATCATAGGT
GCCCGTACCGCAAACCGACACAGGTAGGCGAGGAGAGAATCCTAAGGGGCGCGAGAGAACTCTCTTAAGG
AACTCGGCAATTATCGGGGCATTGAAGCCCTCTTCCCCACCCT

>trans_s_6329 AL161595|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 91

GCAGACGTTTCCTAAGATGGTTAGCTCAGAGTCTGTAGGTTCTTAAATTTGTCGTAATCGAGAGTTCGGAC
CGCTTCCGCTTTGAGAAAGGCGGCCACTGCGAATGTTTGAAGAAACAAGCCTTAAAGATATCATCATTGTTT
ACTTGAATATTTGCTACTACCACCAAGATCTGCACCGAC

>trans_s_6330 Y10991|N.tabacum mRNA for elongation factor 2

CGTGAAACCGTACTTGAGAGGTCATGTCGCACAGTGATGAGCAAATCCCCTAACAAACACAATCGACTGTACA
TGGAAGCACGACCCATGGAGGATGGACTGGCAGAGGCTATTGATGATGGCCGATTGGACCACGAGATGAT
CCTAAAGTTAGGTCTAACTAAAACAGTCTCCTCTTTGGAACC

>trans_s_6331 NM_001069228|Oryza sativa Japonica Group Os09g0255400 (Os09g0255400)
mRNA, complete cds

GGGAAGCTTTGAGAATCTGGAGAAGATAAGGAATGCCGGAGTGAAGTGCCCTCTCTTGTGCAAAGAATTTGT
GGTTGATGCATGGCAGATCTACTATGCCCCGATCCAAAGGTGCCGATGCCATTCTTTGATTGCTGCTGTTTTGC
CTGATCTTGACATTAAATATATGGTGAAAATCTGCAGAGC

>trans_s_6332 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

ATTCGACCCCCTTCGGACAAAGACAGTTTTCTGGCTGTTCCGTATACGTCTGCTTTGGGTCAAATGAGCATTCT
GAAGAAATCCAGTTAAGTTATTACTATTACTATGGTCTATAAAAAAGACTATTCTTTCATTTAGTTTTATC
CCTCTTGCTACGAACAAAATTCATTCTGGGTCCTGGG

>trans_s_6333 AY220485|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 74 (ACRE74) mRNA,
complete cds

GATCCCCCACTGGCCTTCACCCTGTCACAGGACATGAAAAATTTCCCCCATCAATCCACTTCTCGATACTCTCT
CTATCGTAAGTAATCCCAGTGGAACAAATCACAGGGTCCTTCATCAAATCAAGCGAAATCGGACACATATAAT
GTGAAGGAATCGCAATTTCCGAACCGCAATCGACACCT

>trans_s_6334 XM_002313176|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE912),
mRNA

GAAGAAGACTTGCGCTCAAATCTTGAACAAATTGATGAAGCAGAAGTATGGGTTGATCTTTAACAAACCGGT
GGATGTGGTTGGGTTGGGTCTTCATGACTATTATGATATTATTAAGCATCCAATGGATTAGGGACTGTGAAA
TCTACACTGTCTAAGAATTTATACGACTCACCTTTGGATT

>trans_s_6335 NM_001070325|Oryza sativa Japonica Group Os09g0537100 (Os09g0537100)
mRNA, complete cds

AACAACAACAACAACAACAACAAGCCATTGATGCCCAAATCCTTTGGGTTCCAAACAGATCACTTCAAAC
AACCTCCCCAAAACCCACATCCCGGATTCCGACGACACAGATACCTCCGTCCTCTCTGAATCCACCATTTGTTTGC
TCATAGATCGCTTTGCTCCTTTGTGATTATGCTCTAG

>trans_s_6336 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CCCCAAAATTGATTCAATTGTGAAATAAATAAAATATCACGATGTGTGTATCTAGGGAATAGTTGCTTCAAA
GTGAATTACCCCTAGATACACATATTTAATGAAATTTTGGATTTATTTTGAGTATACGGATTCTGTAAAGATTC
AAACTTCATTTTCGTCTTTTTTTTTTTATTTTGCCCCC

>trans_s_6337 XM_002882337|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S24, mRNA

AAAATCAGGACTCTCTTGCCGCTTTTCTCTTCGCCGTCGCCTTCTTCGAGCTTCAAGTCTCCATCCTCTTCAGCC
ATGGCGGACAAAGCAGTCACCATTCGGACCAGAAAGTTCATGACCAACAGGCTTCTCTCCAGGAAGCAGCCT
GCTGCCAGCACCTCCTGTTTCAATGAGTTTGGTACTC

>trans_s_6338 AY370645|Pisum sativum subsp. abyssinicum cultivar JI-227 Sat5 gene, partial cds

CTGAGTTGAGGATGTCTCGCCATTCAATTCATTTTCACTAAACAGATCCCTTTGAACAGGCACACTTCTTTGCTG
TTGAGATGATATAACATACTTCAGGAGCGGCTGCAGCTTGATTGCTGTCCACACCTGAGTCATCATCAACACCA
TAGTTGGGTTCTTCTGACTCGTCTTCCACTCGAGGT

>trans_s_6339 HQ679003|Oryza sativa Indica Group isolate Basmati_3 isoamylase 1-like gene,
partial sequence

AGAATTCGTGATCACACCTAAGAAAATATTATCATGCATCATAACTTCCGATCTATGGTTTTGCTATTTGTGGG
ATGGGATATAGGCTTGGTAAATAGTCATTGTTTCCAGGACTGAGAGATTGGAATGAAGCCGAAGGTTACATT
GTTTTTCCACAAATTTCTAACGTGTGCACCTCAAACCA

>trans_s_6340 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
3-5

ATTGCGCCTAAAATCTCTATTTTTGCTAATATTTTACGTCTTTTTATTTATGGTTCCTATGGAGCTACATTGCAAG
AAATCTTCTTTTTCTGCAGCATTGCTTCTATGATCTTAGGAGCACTGGCCGCCATGGCCCAAACGAAAGTCAAA
AGACTTCTAGCTTATAGTTCAATTGGACATGTAGG

>trans_s_6341 GQ998536|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 photosystem I P700
apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

ACTCAATTGCTCAGGTCCACAAAATTGGCTTGGTTCCAAAATGTAGAATCCATGTTGAATCACCATTTAGCGGG
TCTCCTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGCCATCAAGTCAGGAGCGATCCGGAGATTCAATTTTGAAT
CATGTTGGTTTATCAGGACCTGCTACGGCTGGTCCCTA

>trans_s_6342 GQ487228|Hindakia tetrachotoma strain CCAP 222/71 18S ribosomal RNA gene,
partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed
spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGTGTTCAGCCTGTAGAGTCAAGGCCTCAGACAGAGTGTCTCAGTCATAAAATTATCAGACAATACGAATG
GGCTGGGGCGCTGGCTGTGAAGAATGCGGAAGAAGCAACCATTGAAAACCGGGTCATCATCAACACTTCGA
GCCCCAACTTCGTTCTTGATTAATGAAAACATCCTTGGC

>trans_s_6343 XM_002893648|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-
containing protein, mRNA

ATTTTACGCCATATTCACCTGTGTCCTTATTCAATGAGCTTCGATCATTCTTTGACTTTATTCATTGATTCAGTC
GAGACCTCTGGAACCTCGTCCGGAGTCATTTATTGTCCTTATCAATTTCAACTCCTACTCCGCCTCTATCTGAAT
TGTTTCTACGTAGCTTATAATCTCCGAGAAAGTCT

>trans_s_6344 AY142046|Arabidopsis thaliana At2g19080/T20K24.9 mRNA, complete cds

TGGGGTTATTGAGTGTTTAAGACAGGATGGTATTGTTGATCTTGATTCCGAGTTTCTCTCGCTTCCGGAATGGG
TATCTGCGAAATCTATGGTTAGCTCATGGCTTGAGATGCAGTAATGTACGAGCTTTGGTTGGGAAGTATGG
TGCTTCTGCTTCAAGGTGTATTATTAGATCTTCCATG

>trans_s_6345 AJ007508|Gnetum gnemon chloroplast psaC, ccsA, 4.5S rRNA, 5S rRNA, 16S rRNA
(partial), 23S rRNA, and tRNA (Leu, Asn, Arg, Ala and Ile) genes

TAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACCTCTCTAAGAGGTCTAATGAGGCCCGATGAGAATAATAGAGGT
ACTGCCACTATCGGGGTAACGAGCACGATCTAACAGCAGCAAATCACAACGTCTAATCGGAAAAGGAAAAAA
GGTGCCGACTAGACACAGTTTATAACGGCTACATTTTGTTG

>trans_s_6346 AY660751|Populus tomentosa Gip1-like protein mRNA, complete cds

AGGTTGTTGATCCACAGGAACCCATATGGACCGGGAAGTGTCAAAGTCTTCCAATGCCCAAATCGATGTGCCA
AACGGTGTGGAAGAACAACAATACCACAAGCCATGCATGTTCTTCTGCCAACCTGTGACGTCCTTCACGAACAC
ACACGGCGGACCGATGATACCTTTGTTTCGGCAAACGGG

>trans_s_6347 AB530961|Crepis rubra chloroplast rbcL gene for ribulose 1,5-bisphosphate
carboxylase, partial cds

TCCACCAGACATACGTAACGCTTTAGCTAGTACACGGAAGTGCATACCATGATTCTTCTTTAACTAGTGATAG
TAAGCATGACGAGGCTAAATGAAATACGTTATTTTATCCATATGTTTATAAAGCACTTCCCTAATCCCCGCTG
ATTCTGCCAAGCCCGTTCCCTTGGCTGTGGTTTCGCT

>trans_s_6348 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

CTTCAGATCGACGACGTTGGTGGAGATTACAAAGCAATGCAAGGATCTGAGAGGGAGATCTTTTTAGGAGGA
CCAAATGACTATCGATAAACTTATCCTATTTTACAGTGCGATGGTTAACTGTTACGGACTAGCACAACGAC
TCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCAGGAGGTA

>trans_s_6349 GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

AAACCCTATTCTGAAAGTAGTTCAACTGATGAAGAATCTTACAAGAAACCAAAAGAAGAAACCATTAAACAAAT
CAGCTAAAATCACTAGAGTTCAAGTCAAATTTGAGCTTCTGATTCAAATCTGGTTGTTAAAGATGGATATCA
ATGGAGGAAGCGCAACTGGGGGACTGTGAGAGCGGCTT

>trans_s_6350 AM087200|*Solanum lycopersicum* complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

AAGAGGCTGCTGTACGGCCAAAATATGGTTGCGGAGACAGGATTTGAACCCGTGACTTCAAGGTTATGAGCC
TTGCGAGCTACCAAGCTGCTCTACCCCGCGATAAAGAGAAGAACTGTGAACTAATAGACAAACAAAGATTGA
ATGCACCCCTATACCATATCTCAACTTTCCTCCCAAGAGAA

>trans_s_6351 AY260019|*Grubbia rosmarinifolia* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTCTTCCCGAGGCCCCCGCCGACGTCTCCGGAATCCCTTACGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAA
TTTTAACCCGATTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTGTTGCGCGGCAGACAGGGGCTTCCCCCGTCCCTTAGGATCGA
CTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTT

>trans_s_6352 HQ593829|*Plantago maritima* isolate UNL507 ribulose-1,5-bisphosphate
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; plastid

GCCTGTTTACGCTAAAGGGTCATCATTTCTTCGCATGTACCTGCAGTAGCATTCAAGTAATGTCCTTTGATTTC
CCTGTTTCAGCCTGTGATTTAAAAATAGCTTCCGCACAAAATAGGAAACGGTCTCTCCAACGCATAAATGGTTG
GGAATTCACGTTTTTCATCATCTTTGGTAAAATCAAG

>trans_s_6353 NM_001060701|*Oryza sativa* Japonica Group Os04g0663700 (Os04g0663700)
mRNA, complete cds

ACACAGCATCGTCCATTTGTAATGAACAAAACATCTCTTCTTTCTAACGGTCTTCTCGTCTTACAGCATTTGG
GTCGGACATCATGTCTAGCATCATCTTCTCCGGTGAATCTTCCCAACTAGCAAATGTTTTCAAATCAACCTTTCT
TCTTTGCTCAGTGAAAAGCTCCTCTCTCTTTTGT

>trans_s_6354 CP000594|*Ostreococcus lucimarinus* CCE9901 chromosome 14, complete sequence

TCACGAATCCTCCTCTCCCCACAGAGATCTTCATATACGAGAAAAAGACACAAATTTGCAGTATTAGAAGTGTT
CTAAACATACATGACACATGGAAACCTAGTTGTAAAGATCATCATCAGCCCCACCACCAGCTGATGTTGCA
AACGGGTCAGCCGCTGCAGTTCAGAAGAAGGGTTG

>trans_s_6355 EU526033|*Medicago truncatula* WRKY transcription factor WRKY100577 mRNA,
complete cds

TGGGTGGCAACAAAAGCAGGGCACAACAGTGATGTATGTGTGATCAGATGTATGGATTTAACGAAAGAGGA
GGTGATGATGGAGATGGAGATTAGAAAAGGCTAATGACGAACAAAGCCAAGTGCACCTGTTCAATTCATAGT
GATTTTCCATCATTGGGCAAGGTGGAGATAAGCGGACTCGA

>trans_s_6356 EU717679|*Litchi chinensis* ARF-like mRNA, complete sequence

AGACCAGACTCTCACCACCAAATTCAAACAGTTGGTCCAATTCAGCAACCAATTCATCGTAATTGTTGAACCTG
CTAAGATCAACTGACCTTCCAAGTGCAATCCCCTGCTTGTGGACCTTCGTACAACCTTGCTGAAGTACCCTG
TGATTTGCATGTTTGTGCAACTTATCGGCCTCACT

>trans_s_6357 AB517644|*Dianthus caryophyllus* DcGRAS1 gene for GRAS family transcription
factor, complete cds

GGAGGGATCGAGAAGAGCGCCATGAGCTCTTTGGCAAGTGGAAATCGAGGTTGACAATGGCAGGGTTCCGC
CAGTCCCCATTGAGCTCTTACGTCAACTCTGTCTAATCTCTGAGTAGACCTGCGGCGGATTCAACGGCACATAG
TTGATCCCCTTCGTTCTAGCGGCTGCTGGGATGGAAAA

>trans_s_6358 GQ916683|Pinus radiata 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial
sequence; chloroplast

AGTAACCCATGCCATACTCCCAGGAAAAGCTCGAACGACCTTCAACAAAGCCTCTGTTCTCATATGAAGCGGT
GCTTGAGATCATTATCTCTTCCGCCGCGAAGAACAGTGAGGTATAGTGAAGGCCGAGATATCGTTTCAGTCGT
CATTTGGGCGAAACCATATCGAGCTACACCACTCGTTT

>trans_s_6359 Novel Gene

TCCTTCTTCTAGGTTTCCGAAATGCATCATTATAAGAAAATAATAAAGAACAATCACATTCGATCTATATTTAG
ACTCTTAAGCATAAGGTTGTTTAAACGGCAATCTATAGTCTGATATCGAATATTTTTCCATATATCTTATAATA
TACTATTATTTGTATACTATAAGGCGTAGATTCT

>trans_s_6360 GQ504457|Ficus insipida isolate Fsp040 ATP synthase CF1 alpha subunit (atpA)
gene, partial cds; and ATP synthase CF0 subunit I-like (atpF) gene, partial sequence; chloroplast

TGGGTTCTTAAGAAAAAAAAATAATGCCTACAGTAGAAGGACTAATCAGTTAGTTATTTCTTTCATCGTCCCAA
ACATGCCAATATTAGCACTGATGGTACGTAAATGTAACGTTGTCCAAACAACCTATTGAGAGTTCCTAGAGCT
CCTTGTAAGGCTTGTTGGAAACCTGTTGTCGTACT

>trans_s_6361 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

AAAATGGAAGAGTTGCGTGAATCAAAAATCCAAGGGAGGTTTCATGGCCAAGGGTAAAGATGCCCCAGTAAC
TGTTATTTTGAATGTACTCGTTGTGTTGAAACGGTGTTAATAAGGAATCAATAGGGATTCCAGATATATTA
CTCAAAGAGGCTAGTGTGGCGTATTGCTGATCGGTTCCG

>trans_s_6362 GQ868712|Zoysia japonica cultivar Palisades DREB-like protein 1 (DREB1) gene,
complete cds

AAAGATGGAACCTCAAAGAATAGTGGAATTCAGAAGAGGCTCCGTAGGAGTTGAGCTTTCAATAAATAAAGAG
AGAAGCGACTGAAAGTTGCGCTTTGAATGTCTCATTGATAAGGACACAGGTCTCATTAGATTAAGGACACAGG
TTCATATGGACAGTCAAGAGGAGCGAAAGCGGCTCGACT

>trans_s_6363 NR_023067|Arabidopsis thaliana (AT4G39366) ncRNA

GATCGGAGTAATGACCGGTGAAAACAATGATGATACCTTAAAGGCTTGTTTCTCAGAACATTCGCAGTGGCCG
CCTGAGAGCTTTCGCTTCGCCAGGCTTGAGAGCTAATGCTGTTTTAATCCTTCCTTGGATGTCTGAGTTAAAG
GCGTAACGATCTGGGCACTGTCTCGTCTCTCTCTTA

>trans_s_6364 DQ785833|Cucumis melo subsp. agrestis ribulose-1,5-bisphosphate
carboxylase/oxygenase large subunit gene, partial cds; chloroplast

AATATATTGCTTATGTAGCTTATCCCCTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCCATTGT
GGGTAATGTATTTGGATTCAAGGCTCTACGTGCTCTACGTCTGGAGGATTTGCGAATCCCTACCGCTGCGCGC
GGGAGGGGACAAGGGGGTGGAGTACCATAAACTTT

>trans_s_6365 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

GGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATATTCCTTCCCCCCCCCTGGTTTCAATAAATCCCCTACAAC
AGTTCGTCTTGCCAGATCTAGAACTATCGTCAGGTAATTCCTGTTGAAGGTCGTTTCGAGCTTTCTGGGA
GTATGGCATGGGTACTTCAGCGCCGTAGCGCCTG

>trans_s_6366 NM_111464|Arabidopsis thaliana neurofilament protein-related (AT3G05900)
mRNA, complete cds

TCCGGTCGCGTATAGTCGGCCCTTAATGTCATCCCTTGCTTCAGAGGAAAGGGTTTTTGAGCTTGGTGACTTG
CCAATGATGGCTTTCTTGCCTTACCAGTGACTGTTTTACTTTCGATAAAATATTGTGTGAATGCTTATGACTA
GGCTTCGATGGAATTCTTCTTGTCACTTAACCTT

>trans_s_6367 XM_002319760|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS56),
mRNA

TCGCCAGTGTCAAGAAGCCAGCAATCCGAGGCAGTTCACCTGGGGAAACGACAGAAATCGATGGATGAATCA
TTGTTGCAGCAGCAGGGAGGATTGCCATCGGATAATTTGAAAGACTTGTTGATTGCTTGCAAAAGCTTTAT
CTGAAAACAGGATGAAGGAGGGGTATAACTTGTTGCTA

>trans_s_6368 NM_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,
complete cds

TCGTTTGGTTCTCGACCATAATATTGCTGATTATGTCACTGCAAAGAATAACGTTGCTCTTACAAAGACAT
GAGCCACACAAATTCATATGGTTTGATACGTGGTCTCCAGTTTGCTTCGTTTGTGTTCAATATTATGGACTTGT
GCTTGATCTGTTGCTGCTCGTCGGTGGGGCAGCC

>trans_s_6369 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGACGGTTCTTATCGTATTATTAGTC
TAGGGTTTATCTTTTAAGCATAGGTATTCTTTCAGGGGCAGTATGGGCTAATGAGACATGGGGATCGTATTG
GAATTGGGACCCAAAGGAACTTGGGCATTATTGAT

>trans_s_6370 Novel Gene

AATTTTACTGGCCTTCCAGTGGGACCTCTGTATCAAGTACTCCCCAGGCGGAGTGTTTCACGCGTTAGCTGG
GCCCCTGATCCGCTAGACCAAGGGCGAACACTCATCGTTTACGGCATGGACTACCAGGGTATCTAATCCCGT
TCGCTCCCCATGCTTTCGCACCCAGCGTCAGTGTC

>trans_s_6371 HM594684|Solanum lycopersicum auxin response factor 6 (ARF6) mRNA, complete
cds

GAGACCACAGGCGAGCGAGCCGACCGAGTCGGAATGTGTACGAGATACCATAGGGGCCCAATATCTCAATA
GCACCTTTGTCTAAAGCTGAGAATGAGACTGAATATCGTTTTTCGAGGAAGGATCTGACTAGAAAGTCATTCA
AACTTGATCGAAGAACCAGTACCCGCTGAAGAAGCTAT

>trans_s_6372 AF398750|Deinandra lobbiai ASAPETALA1 (ASAP1) gene, exons 3 through 8 and
partial cds

AAGGGTTAAAAAGAAAATTTGCAGTTTTTATATTGTCAAAAAATTTACTTAAAGTAATGGGTGTGTTTCATT
AATAGTTTCAATGGATCATCTCATCTTATTTGAACAATTGTAACCTTCGTGACTTGAAATATTTGAAGTATTTGGC
AAAAAATTAAGAATAGAAAAATAAAATTCTATTT

>trans_s_6373 XM_001690729|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ATGTTGCATTCCACAGGGAGAGGTTTTTCAAATTGTGGCGCACTCTCAGTTGCGTTGGGCTTAACATTATCAC
TTTCCGGTGAGGGCTTCCATGGCCGCTTTACTGCCCAAGCTTTGCAGTCAAAGCGAGGGATTTCGCCCTACAT
TCAATCCATCCCAGAAAGGTTGTTGGCCAGAGCAG

>trans_s_6374 L29445|Delphinium elatum chloroplast 23S - 5S ribosomal RNA genes, internal
transcribed spacer

AGATCGGCTTACAGATATTGAGATAAAAGTAACAAGTTGAGAACTGTTGTGCTTTTTTGGTAACAAGTTGAG
AAACTGTTGTACTTTTTTGGTTTTTTTCGAGACCCCTCCCTCTCTATCTATCCAAGGGATGGAAGGGCAGAGGC
CTTTGGTGTACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTC

>trans_s_6375 AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

GATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCAGAAAAATGAAAAGGTCGTCTTATTCAAACCCCTTCTCTCCCACTTT
TCTATCTCACTTCACACCTTGAACGCACCGTTCTTATAGAGAGAGAGGCGCTTTCACATCTTCTTAACCCGAA
ATGGCAAATGGCTGGGGAGAGGAAAGGTTCCCCC

>trans_s_6376 Novel Gene

CAACAGCAACAGCAAATGCAACAGCAACAACAGCAGCAGCAACAGCCTTATCAACAGCAACAACAGCAACAG
CAGCAGCCGTCGTCGCAACAGCAGCAACAGCATGCTCAGTCGAGAGACCTCGTAGACAGGGGTCAACGGAC
GAGACCGGAGTATCTCAAGCCAATAGTTCCTGATTCCAA

>trans_s_6377 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

TCAAATGCCCCCGTGGATGTAATGCTTAAATGGATCGATCTAGCAATGATGGAATTTATATTATGTTTACTGA
ATCACATGAAATTTTACCTAACTTCATAGGTGTAATAGATGTAATGCATGAAATACATATGAACGTAGGAATAA
AGAGACTTTGATACTCAAATTAATTTGGAATTTGC

>trans_s_6378 NM_001070391|Oryza sativa Japonica Group Os09g0548700 (Os09g0548700)
mRNA, complete cds

TGGGCTAGTGGCGATCGACGCCTTAGCTTGGCTGAATCACCTGTCTGTACAGAGGCATGATGGAGGTTGGGG
AGGTGGAGATGTATTTTTGGAAAGTGGTAGATCTGAAGATGGATTTGAGCTTTTGATTGCCTTGGTAGCCGGT
GGCGAGAATGACGACGTCAGCTTCGACAGGTTGGGTGT

>trans_s_6379 FR669115|Vitis vinifera K1.2 gene for inward rectifying shaker-like K+ channel

GTAAAAGGCAGCATAGGGAATAGAACTTCAAATGCTTGTTTAAAAAGTTGGAGATAATTGAAGATAATGGG
AAAAAGGATGAAGTCCCCTACAATAAGGAGTCAATTAAGAGAAAATTAAGATGAGCATAACAAATATATGGT
TCCTTTAAATAAGTTTCTCATGTTATCCCATGCTAATG

>trans_s_6380 EU282451|Stichococcus sp. 594-GA18 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAGAAAGATTGAGAGGGTATAGCAACACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTACCCAATCCTGACAC
GGGGAGGTAGTGACACGCCCCGCCACATACCAAATCAGGATGACTCAACGGCCAAGGCAGACGTGGGCTCGGG
CTTCCGGTAGAAGCTGGCCAAGAAAGGGGGTGGCCTCGG

>trans_s_6381 FJ038497|Parinari montana voucher NH200145 RNA polymerase C (rpoC1) gene,
partial cds; chloroplast

GGGGTTTTTGCTAAATGATCTGCCGCTACGCTGCATCGACCTTCTACTTCCTCCCTGCGATCTTCCACCGGTTGG
AGGTGCTGCACTCTCTGACTTTCGTCTCACCATCATACTCGGTTCAATTCTGTCTCTCATCGTTACCCCGTCA
CCCCCGCCGCCGGACTTCTAAATAACCTCCG

>trans_s_6382 D45857|Glycine max mRNA for Mg chelatase subunit (46 kD), complete cds

CGTGAATCTTATAAGGCAGAGCAAGAAAAGTTGCAGCAACAAATTTCTCCGCTAGGAGTTCCTTTCTTCTGT
TCAGATAGATCAGGATCTGAAGGTGAAAATCTCCCGGGTTGTGCCGAGTTGAATGTGATGGATTGAGAGG
AGACATAGTACTGAGAGTCTCTGTCTCACTCTGACT

>trans_s_6383 AB270699|Populus nigra PnKu70 mRNA for Ku70 homolog, complete cds

ACAAGACAAGAATGAGAGAGCTACGTGGGAGAATGAAGATCGAATTCAACTCTAATTCCGCTGACTCGTAAA
CACACTCAATTACGCCTAGCCTTCTCGTTCGTGATCCGACCGCTCCGAAGGAGTCATTCAATTCCACACTCAA
TAACTCGACTCAGGGCACGGACAGAGGGGTCACAAGT

>trans_s_6384 M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
1-2

ATGCTACTTTTCATTTTGCTCATTCATGGAGTTGTATTTAGTACCTCTAAGAAAGATTCTTATCCACCGTTAGTCA
GTAATGTGGGTTGGCTTGGATTACTTAGTGTCTAATAACCTTGCTTCTGCTCGCCGCTGGCGCACCTCTCCTA
ACTATTGCCACCCGCCTCAAAATCATTTTTTGA

>trans_s_6385 EU385292|Platycarpha carlinoides NADH dehydrogenase subunit D (ndhD) gene,
partial cds; chloroplast

AGCACCTTATGAGAAATCAAAGAATAGCTTATTCCTCCGTCTCTCATATGGGTTTCATAATTATAGGAATTGGT
TCTATAAGCGATACGGGACTGAATGGAGCTATTTTACAAATAATCTCTCATGGATTTATTGGCGCTGCACTTTT
TTTCTTGGCAGGAACAAGTTATGCGCACATCACAG

>trans_s_6386 D67088|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 2 complete
cds

GGGGTTGTGTTTGTGCGCTTTTCTGTCGAAACCAGCTACACCTGCCCTGTTTTAACAAACATGTTTCACCTGAG
CAAGAATTTGACCTTCTCCAAGGACAAGAGAGTCAAGACCCGCAGAACTTCAAAGAGGTGCTGAGTTGCAT
CGTTATTGTATAATAGAACCTATGCTTACAAAGCTC

>trans_s_6387 AF528867|Mahonia aquifolium cytochrome b-559 alpha subunit (psbE) gene, partial
cds; cytochrome b-559 beta subunit (psbF) and photosystem II subunit L (psbL) genes, complete cds;
and photosystem II subunit J (psbJ) gene, partial cds; chloroplast

CGCTCCGGGCGCAACTTGCGTTCAAAGACTCGGTGGTTCGCGGGATGAAAATAAAACAGCAAGTACAAAAAT
GAGTAATAACCCCCAGTAAAGACTGGTACGATTCAATTCAACATTTTGTTCGTTGGGATTTGATTGTGTCATAG
CTCTATAATTCTACTAATGCGGGCCTGATGAGTACCC

>trans_s_6388 Y14557|Pisum sativum mRNA for ribonucleoprotein

ACCAGTGCGAGTATGTCACAAACCCAAAACCGCGACTCCGATCTGTTTCTCTGTTGTAAATAACCTCAGCAATC
TCCACAGTTCCAGCCTTCTCAAAGAGCATTGCTAACTTTTGTAGGAATTTGAAATACGAATGCCCCGACTGT
CCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAAC

>trans_s_6389 X70783|C.nucifera organelle 16S rRNA gene

TATCTACCATAAAGTCCGACCAAACATCTCACGACACGAGCTGACGACAGCCATGCAGCACCTGTATGAAAGT
TCCATCCTTACACAAAGCATCTCTGCTAAGTTCTCTGGATGTCAAGAGTAGGTAAGGTTCTTCGCGTTGCATCG
AATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGTGCGGGCCCC

>trans_s_6390 AB554221|Glycine max GmGla mRNA for GIGANTEA, complete cds, cultivar:
Moshidou Gong 503

GCTGTTGCATCTATTGTCAATAGGGCTGAGCCATTAGAAGTGCACATAGTGTCTGCACCAGTTTCTGAATATTC
TCGTGTGTCTTCAGCAGGCCGAAAGCTAACACAACCTCGAGGACCATGTCTACTTTGAGAACGGACAGCAGTCT
ATCCCTACCGTGTCTCTCTGCAAACGTTTAGTTA

>trans_s_6391 NR_023067|Arabidopsis thaliana (AT4G39366) ncRNA

GCAGACGTTTCCTAAGATGGTTAGCTCAGAGTCTGTAGGTTCTCTTAATTTTGTGTAATCGAGAGTTCGGAC
CGCTTCCGCTTTTCGAGAAAGGCGGCCACTGCGAATGTTCTGAGAAACAAGCCTTAAAGGCCGCATCATTGTTC
ACAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACG

>trans_s_6392 XM_002867291|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle receptor
alpha subunit family protein, mRNA

CAGGTGGGAAAGCCTTTGAACAATTCCAGGAAGCAAGGGCAGGATCAAAGACTGGATTTGGAGAAAACAA
GAAAAGCAACAGTGGTTTGGCAGATGATGGTGATGCTGAGCGTACAAAAGGACATAAGTTGGAGAATGGTT
ACTCTAATGGCAACCATGTTATAGAATCTAACTGACACG

>trans_s_6393 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AGATTCTAGCGACCCGATCGGACGAGTCGAGAATTGAATAGTATAACATAGGAAGATCTTTTATCCATACCGA
ATTTAAACAAAATGGGATTCTGATGCAATCAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACA
TCACTGCACTTCCAATTGACACCTATCGTGATGAT

>trans_s_6394 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

AACCTGCAGGTATATGTCTAGTAGGGAGATCCCGTGCTATTACGGTAAAGGAGGACAGACATATCGCGGTAG
TTCGATTTAGGGATAAACGGTGAACCTCGGAAAACAGTAGTAGAGAAGTAGGAGTCTGGGCCGTGTCTCAGT
CCCAGTGTGGCTGATCATCCTCTCGGACCAGCTACTGA

>trans_s_6395 X64198|*N.tabacum* LHC-I mRNA for photosystem I light-harvesting chlorophyll a/b-binding protein

AATGGCTTCCAACACCTTGATGAGCTGTGGCATTGCCACCACCGCTTCCCTTCAGTCCTTTCTTCTTAAGTC
TAAATTCGAGCCGCTGTCCCCATTTCCGGTGTGCTGTCAATGCATCTTCCCGATTTTCCATGTCCTCTGAGTG
GATGCCCGGCCAGCCCCGTCCCCCTACCTCG

>trans_s_6396 AY189054|*Centella erecta* 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

GGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTGACCGCCACGTCCCGGTTGAGGAATTTTAACCCGATTCT
CCTTTCGAAGTTCGATAGGTCGCAGAGGAGAGTTTTGGGAAAAACAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGC
AAGTGCCGTTACATGGAACCTTTTCCCCTCTTCGGC

>trans_s_6397 AY952383|*Veratrum maackii* 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACAGCATGAAAGTAAAGGGTGTACACACCGCCCGTCGCTCCTACCGATTGAATGGTCCGGTGAAGTGTTCCG
ATCGATGAGAGCAGGATATATCCTAGCCTGTCTGTGAAGGACCAACCATCACGGAGAGCGTTACTTCTCATC
ATCGCAAAACAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCA

>trans_s_6398 GU066251|*Rhizanthella gardneri* isolate North 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; 23S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 4.5S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GACAAGGAAATTACTATCTCAACGGATAAAAGTTACTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCCTCTCGAGTG
TAGCTGAACTTACCTATTGCTAGTGGCAGAGATCGGACAAGGAGGAGGATACGCAGAAGAATCTGGAGAG
TGCCCCCGGAATCCACCCTACCCACGGACGTCACCG

>trans_s_6399 AF068722|*Nicotiana sylvestris* MADS-box protein MADS3 (NsMADS3) mRNA, complete cds

TAGTAAAAGGTCTGAGAAGGAAGATTATGTTGGTAGAGACGATGTTTGAGGTTTGAGGGAACAAAGGGAAT
AATGGAAGAGGGCCCCTGTCTTGTGAGAGTCATCACATTGTGACTTTCGCAACCTCTTCTAAAGAAATTTTTT
GGTAACAATAACGGGTTTGACCCCCAACGTTTGTTT

>trans_s_6400 DQ768222|*Prunus persica* inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

ATTTGGCCATGAGTTGGGCGCTTTAACCATTAGCCATGGATGCTTAGCGGGGATCCTGCTACATGGTGCAAA
TTCCAATTGAAATGAAAACCTTAGGATAAATCAATGCAATTTAGGAGGACTGAAATGAAAGAGCAGCAATTCA
AATCCTGGATTTTCGAATTAAGAGACTAGTTTGGCC

>trans_s_6401 NM_001123947|*Arabidopsis thaliana* CPuORF19 (Conserved peptide upstream open reading frame 19) (CPuORF19) mRNA, complete cds

AAAAGAATAATGGCTCAGATGAAGATCATTCTCCAGCTCGTAGCCATGCCGGTGATAATGACCAAGCAGCCG
ATGACGAAGATGATGACGATGTGCAGTGGCAAACAGATACTTCTTTAGAGGCGGCCAAGCAGCGTATTACAG
AGCAGTTGAGTGCTGCTCACTGCTGATATGTGATACGAG

>trans_s_6402 NM_112192|*Arabidopsis thaliana* ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

GAAAAGACCAAGAGCTAAGGGTAGCAAGAACCAGAAGGGATTTGTGCCTAGTGTCTAGAGTGTCCCTTTTAC
CAGGGGCCCCACCAATGAACGCTACAGATGAGGAAGAGAAAGATAAGGTGTCTACTCCAGACCGTGATCAATA
CAACAAATCAGATTTTCTGAAGACGCGTAGTCTTAAA

>trans_s_6403 FJ872091|Rheum delavayi photosystem I P700 chlorophyll a apoprotein A1 (psaA)
gene, partial cds; chloroplast

ATCCTAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCCATTTTTCACTTTGAATTGGTCAAAGCGCATAAGGCCCTCCGTCCCC
TATAAGAAACCGAGCTTGACGGTTAAAACTCGCAACCGGTTAGCGCCATGTGTTGCTGCCCCGATCGCCATGG
CCTCCCCTTCATATCGCCCAGTGACATATCAGTT

>trans_s_6404 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

TCCGGTGGGTTCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTCACTCTTGAGTTTGGGTGAGATCTTCG
CCGTTTTTTGGGTGTTGGATTACATTGAAAGGGGTGGTGGGATTATTATCCATATCGGAGAAGAGATTGAAG
ATAGGTAAGAATTCTTCTTGATTAAGAAATGGGTC

>trans_s_6405 GQ998536|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 photosystem I P700
apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

CAAAATTGGCTTGGTTCCAAAATGTAGAATCCATGTTGAATCACCATTTAGCGGGTCTCCTAGGACTTGGGTCT
CTAAGAACCCGCCCCGGTAGTTCAGGTGCATAGAAATGGCTAATTGGTTAAAGATTACGACCTCATCTAGGAT
TTCTCTAAGGTGAAGGAGTACTTAAATAGGTTCCA

>trans_s_6406 NM_126764|Arabidopsis thaliana ribosomal protein S4 (RPS4) (AT2G07734) mRNA,
complete cds

AGAAACAAGATCGGACGTTATTCCGGTTCGTCTCCATTTTAGTTCAACTATTCCTCAAGCAAGGCAGCTGATAA
GTCATCGAAGGGTTTGTGTGAATAAAGGAATGGTCAAATTACTCATTTTCAAGTGTCCCACGGTGATCTAAT
ATCTTTTCAAGAGGGCAGAATAGAGGAAGATAACC

>trans_s_6407 XM_002876086|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata myb family transcription factor,
mRNA

TCTGCCTGGGCGTCACGCAAAGAATGAAAAGGCTGATTTACCTCTTAGAGTTGCATCTCCTATAGAAAGCCCTT
CTGCTGAAGCTACTGCCTGTGTGACATCTTCTCTGCCTTCTGAAGATACAATTTCTAGGAAGAAACCAAGGCTT
GGATGGGGTGAACCTGATCGGGGACGGTCTCCCT

>trans_s_6408 AF366293|Brassica napus glutamate 1-semialdehyde aminotransferase (Gsa) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CGATCCTCGCGTTTTTCATCGTGTGAAAATGGCTGTCACTCTCGATGAGAAGAAGAACTTCACTCTCAAGAAATC
TGAAGAAGCTTTCAATGCTGCCAAGGAGCTAATGCCTGGTGGAGTGAATTTCCCTGTTCGTGCCTTCAATCT
GTTGGTGGACAAAACATAATTATCGATTCTGTGAA

>trans_s_6409 M82366|Trochodendron aralioides 18S ribosomal RNA (18S rRNA) bp 1502 to 1688
in mature rRNA

ATAGCCTTGCCGACAGGCCCGGGTAATCTTTCCCGGGACGCTACAGCAAAAGCGAGCTGCCATGGCCACC
AACTCCTGTGCTGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACA
CATAAATGATAGAAGCAACGACTGCGCATCCACAGA

>trans_s_6410 AC018632|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F3F24, Chromosome
V, complete sequence

CTAATATCACTAAACCTAAGAATACGGTTATATGTCGACACGCATACAAACCTGCAATTGGCATGTTGCAAATG
GATTGAGCTTCACCAAAACCGATATTATTAACAACCATCAACACCAATGCTAAAACCACAACCTTTCATAGCTTT
ATCCATATTAATATTTCTCTCTCTGATCTCTTTT

>trans_s_6411 X60216|G.max mRNA for beta-tubulin, partial cds

AGATCGGAGCCAAGTTCTGGGAGGTCATTGCGATGAACATGGCATTGATCACACTGGAAAGTACAGCGGTG
ACTCTGAGCTTCAGCTTGAACGGATTAATGTCTATTACAATGAAGCCAGTGGCGGTAGGTATGTTCTCTCGTGC
TGTTCCTTATGGATCTTGAGCCTGGAACCATGGATAG

>trans_s_6412 NM_001063308|Oryza sativa Japonica Group Os06g0142900 (Os06g0142900)
mRNA, complete cds

AGAGTGAAGTTCTCTTTAATGAGAAAAGGGATTTTGGGAGCAGTGAGAAATATGAGAATTTATCAGAACAAG
GAGGTAGCAGCTTAGGTGGTGTTCGACTCTGAGTGGGATAGTCCAAGCATGGAGCCAACGTAAATGAGA
GAGTCATGAGGTCCAGTCTACAGTCCAACGTCCAAC

>trans_s_6413 NM_119165|Arabidopsis thaliana AHA2; ATPase/ hydrogen-exporting ATPase,
phosphorylative mechanism (AHA2) mRNA, complete cds

TCTGTTTGATCCACCAAGACATGATAGTGCAGAGACAGCCGAAGGAGCTTTAAATCTTGAGTAAACGTGAA
AATGATTACTGGAGATCAGCTGGCTATAGGCAAGGAAACAGGACGTCGATTGGGGATGGGAACCAACATGT
ATCCGTCTTCTGCTTTGCTAGTCACTTCCCCTCTACTC

>trans_s_6414 AF205514|Corsia sp. Neyland 1834 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGGAGGTCAAAGTAATGTGAGGCTGCAGCTAAATCAATCCATAGAAGTTTACTGGCCGGTTGTTGTTTCAGAT
CTAATCTGATCTTCATCGACGATAGACCCGCGGGCGAGTTCTATCGGGTAAAGCCAATGATTAGAGGCATCGG
GGGCGCAACGCCCTCGACCTATTCTCAAACCTTTAT

>trans_s_6415 XM_002320610|Populus trichocarpa glutaredoxin (PtrGrx9), mRNA

ATACACGAGAGGATTGACTCCAAGTTCCCCAAATAGAATGTAACTGCATATGATAGGCAGCATGAGCTCTTG
CTGAAGATGACCACACTCCTCTCTGCAACCAACCTTTAACTTATCCATGCCTTCCTAATATGATAGAGTTTTC
CTTACAGATGAAATGAAGCCAAGCTACTAACCT

>trans_s_6416 NM_001053952|Oryza sativa Japonica Group Os02g0613000 (Os02g0613000)
mRNA, complete cds

GTCCCTGGAAGCCGATGTCCTGGTGAAGTGAGCCTTTCCGTCTTCACCAAAGAAGTATTCTACTAAACCACCA
TTTTCAACACTAACTTTCATCCCAAACCTTCTCCATCTCTGTGGTGAGCTCCCTGTCTGTTCTGTTTTCTCATCA
AACCCATCACTTTCTTGAACCTCCTCCCTGTC

>trans_s_6417 AF130440|Pinus taeda arginase (ARS20) mRNA, complete cds

AGCAACCATGGCTGTCATCCCATCGACAGTGTCTCGCTGAGGGTTGAACTCAACAACATCCGCACCCACAATA
TCCCCTTTGAGATTCTGGACGATGTTCAACATCACGGAAAGATAAACCTCCTGGTTCAATATGAGACACTCC
CGGAGCAAATGCTGGATCCAAAGAGTCGACATCT

>trans_s_6418 NM_126762|Arabidopsis thaliana cytochrome b (MTCYB) (COB) (CYTB) (AT2G07727)
mRNA, complete cds

TTAGCACTTCTTAGAACAAATAAAATTCCATAAATCAGTCCAAGAACAAAAAGTTTCAGTCAGGAAAGCCGTCAG
TCCGGAGGACGGGCTCATCCCGTGTAAGAATTAGGAATTCCTCTTCCAACCTCGTCCCAGAATGGGCGTTATGG
CAAAGAAGAAGAAGAAAAGAAAAGAAGAAATTTGT

>trans_s_6419 CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

CTTTGATCTTTCATTCTCTCTTCGGACAAGATAAAGAGGAAGACTGATCATTCGATCCTTCAGGCTGCTCTTCT
CTCTTTCAGTTTCATAAGTACTCAAAGCTTTAGTATTCTCTGTTGCTAGGGGAAGCCTCAGTCTGTGGCTGTCTA
ACTTCAATCTCCGCGCTCAATCGTAAGCTCG

>trans_s_6420 AJ312970|Pennantia cunninghamii chloroplast partial ndhF gene for NADH
dehydrogenase subunit F

TCGCCTCTAATTTTACCCCCAAGGACCCTCCCGCTAATCAGGTAACCATACATGAAGAGGAAATTGAGCAGATT
TAGCAACTGCACCTGCAAATAATAGGACGGCGCACAAAGTAACAAATAATAAATTAACCTCATTATTATCAATC
AAGTTATTGAATATTTTAAATAAATCCCGAAAT

>trans_s_6421 FJ418174|Camellia sinensis lipoxygenase (lox2) mRNA, complete cds

GAATCACGTTCCCATAGGAGAAATACTCGTATAAAGGAATATGTCGCCTTCTCCAATCCCGTTACAGGATCAAC
CTCAGCACTGACGAGCTCCAAAATAATCGATTTACCAAAAAGATCAGCAATTCATCAAGCCCTCGTTCCAAAT
ACAACCCAGTCCCTAAACTCTTTTTACTGTCA

>trans_s_6422 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

GGCGCATACATTCAGCAGTCGGAAGTTTTGAAGTTTTGTAGGATCTGTCACATGCAGCGCTTTTGGAGCCAAA
CATAAAGCCAAGCTTCAACAAAAGCACCATTGCAATCTCCGTTCTTGTAACAATCATCAGGCTAGAGAGAG
TTGTCTCGCGCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCA

>trans_s_6423 EF514212|Solanum tuberosum strain P6/210 contig R1, complete sequence

TGTCTTGTTCTCTGCTGCGAACTGGGATCGCTCGCCAGCTAGGTCAGATTGGAGCAACCTTTTATGAGAACAT
ATTACCCTTATTCGGGGACAAGGGGCGGAACGACCTCTCGATCTACTTACAGCTGCCAGGAAGAATTCGTCT
AGGCCTTCCCTCTTGCTCCGATCTCCCCGTAGGGA

>trans_s_6424 XM_002865148|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NLI interacting factor family
protein, mRNA

GGATAATAGCGAACATGATCCAGGGAGCAAACCTTGATAGAGATATACCAGGAATGGAAATTGATGAAGGGA
AAAATAGCAGAAGCTCACATGACAGTCAAACCTGCGACATATCAGATTTTTTTATTTCTGACATGATAGTTGCA
AATTTACCTTTATGTGCCCCGTCGTCACGGTGTGAC

>trans_s_6425 EU982507|Panicum virgatum strain 1186 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACCTCCACGGTTGAGCCGTGGGCTTTACATCAGACTTAAGAAACCACCTGCGCTCCCTTTACGCCAATATA
TCCGGACAACGCTTGCCACCTACGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGTAGTTAGCCGGGGCTTCCTCGTTAGGT
ACCGTCAAGGTACCGCTCTATTCGCACGGTACTT

>trans_s_6426 NM_114447|Arabidopsis thaliana PHOT1 (PHOTOTROPIN 1); FMN binding / blue
light photoreceptor/ kinase/ protein binding / protein serine/threonine kinase (PHOT1) mRNA,
complete cds

TGGAACCTTCTTACTATTTACCAATCAAAGATGATGATGGCAAAGTTCTCAAATTTATTGGAATGCAAGTGGA
GGTAAGCAAACACACGGAAGGATTCAAGGATAAGATGCTACGTCCCAATGGATTGCCAGAATCATTGATTGCG
TTATGATGCCCGTCAAAAGGAGATGGCAATTCTTT

>trans_s_6427 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

ACCGCGCAAGGAAGGCGGGGGTGATTATTTGTATATTTATGTTCCCTAAGTAGATTATCTTGAGCCATGTATA
CATTGCCTTGGTCTAAGCTAAAAAAGAGTATTTAGAAAAGAAACCAACGGGCCACCTGTTCAAGTCTACCG
GTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGC

>trans_s_6428 AY147702|Talbotia elegans ribosomal protein L2 (rpl2) gene, partial cds; chloroplast

CCGGCCTCGGAAGCCTTTAGAAAAGAAAAATCTCTCGTCTCTTCGTACCGTTTACAATATGTGGAAGTATCGAC
GTAATTTCATAGAGTCATTCGGTCTGAATGCTACATGAAGAACATAAGCCAGATGAAGGAACGGGAAGACCT
AGGATGTAGAAGATCATATGTACTACTAAGCCGT

>trans_s_6429 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

AAGCCACCTACAGACGCTTTACGCCAATCATTCCGGATAACGCTTGCATCCCTAAGTAGATTATCTTGAGCCA
TGTATACATTGCCTTGGTCTAAGCTAAAAAAGAGTATTTAGAAAATAATCAATGATGACCCTCCATGGACT
CGCCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACA

>trans_s_6430 Novel Gene

AATATAATTTGTTTCTTCTTTCTTGCTGCTTGTCGATGTAGAATCATATACCATTCAATAGAAAATTCTGA
AAATGCCTGTCTGTAGTATTAAGGATTCTATCGGTTATTGGCTTCGGGCTAGAAAGCGAAGATTGGGTAAAT
GTGAATCCGACTGGTTGGTTTACGGCAATCCA

>trans_s_6431 AC092750|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare from
chromosome 10, complete sequence

GGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCACAACCTCCCTCTAGACCTCTAGTAGTGGTCCTTGATGCACTATCTCC
CTTCAACCCTTTGAGCGAAATGCGGCAAAAGGAAGGAAATCCATGGACCGACCCCATCGTCTCCACCCACG
AACCAGCATCTCAGTGGGGGCTCGAAGACGAAGT

>trans_s_6432 AY480021|Capsicum annuum elongation factor 2 mRNA, partial sequence

AGAGGATTTTCATGGGTGGAGCTGAGATCATAAAATCTGACCCTGTTGTCTCTTTCCGTGAAACCGTACTTGAG
AGGTCATGTCGCACAGTGATGAGCAAATCCCCTAACAAACACAATCGACTGTACATGGAAGCACGACCCATG
GAGGATGGACTGGACTCTTAGCGGTCGTCGTTAATA

>trans_s_6433 GQ227725|Camellia oleifera peroxidase mRNA, complete cds

CTTGTTCGGTATACACTAGAAAATGGCCAAAAAGCAAGACTATTTCTTCAAGGAATTCTCAAGAGCCATTACC
ATCCTTTCTGAGAACAAACCCTCTCACTGGCACAAAGGGTGAAATCAGGAAGCAGTGTAATGTTGCCAACAAAGC
TGCACTGAGTTACAATGGATCCATCTGGAGCAA

>trans_s_6434 AY968417|Marah macrocarpus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AATCCTATCGATAGAGACGCAATTTTAAGGTAATAAGTGTATAGTATGAATAGAACAAGAGAGAGGGGGAAA
TACTAAAGAAAAGGTTAGTCAAAGCTATATACAAGAAAACACCCCCCACATCCGACTGGGGCACATCGCCGG
CCCCATCCGCTTCCCTCCCGACAATTTCAAGCAC

>trans_s_6435 BT015433|Arabidopsis thaliana At1g80120 mRNA sequence

ACCACCCATTTCACTGTCATGAAAATTCTCTCTTCTTCGAGGCGATGGCTTCACCGTCTATGATTGCAAAGGC
AAACTCGTCTTTTCGAGTCGATTCTTATGGTCCTGATTCTCGTTATAGAGATGAACTCGTTCTCATGGACCCTCAT
GGCCGTTGCCTCTTCACAGTCCGCCGCGCC

>trans_s_6436 AF241609|Uncultured chloroplast GU3A 16S ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast gene for chloroplast product

GAGTCCTACTTGCGACCGCCGTACGAATTGTGTATACAGTGAAGTGCCCTTCACCACAAAGAGCATGTGATGA
GTTACTCGGATTTCCCTTCAAGACATCTTGAATGATGCACAACCCGAGTTTCTGATGCTGAACTGGAAGTGA
AGACTCTTCCCAAGAGTGTGTCCGTAGGGACCC

>trans_s_6437 EF578319|Oryza rufipogon chromosome 4 anonymous locus R975 genomic
sequence

CAGAGGAGGGCAGAAAGTAGAGAGTCGCCAGCAGTCTGATACTTCTAGTCGACTGCTCTATGACGGGCTTCCC
CGTTCCCTGGGCTCTGCTCGCTCGTATACGCTCCGATCCTGCAAGTAATATAATAAGACAAACTCTCTT
TCCTTGTCTTAGAGCCTCTTCTACCGAGTGAGA

>trans_s_6438 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

GAAGCAAGAGTTATGTTTCTCTGTTGTTTCACTTTTATGGCACAAGTTAATTGCGACGCCCCGAAATTCAACCCA
GTGCAGAGGGCACATCTGCCAACAGGGATGGAGACAGGTAGTTGATGCACTCTGCAATGTTGTATCTGCAT
CCCCAGCAACTCGTCTCACCTGTGTGTGCTCTGT

>trans_s_6439 XM_001698967|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ACGGGTGTGGAGGAACACCACACGCGTGAGGTGGCGCAAACCCTGGCTGAGCTGCAGTACCATAACTGGAT
GGTGGAGCACGTTGAGAAGCAGAATCTGGTTGAGTGTACCCGGATGCAGGTGGCTGAGAACTTGAGTATCCA
GACGGCAATCCAGCAGGTTGCCCATAGCCACTAGACA

>trans_s_6440 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

TCTTGTGCTTATAGGGAACAGAGGTGGAAGATTCTCGTTCTTCTATTTGACCCGAAACCGATCGATCTAGCCA
TGAGCAGGTTGAAGAGAGCTCTAACAGGCCTTGGAGGACCGAACCCACACGCACAATGTTTATGCCCCATGA
CAACACATCGAAAACAGGGAATTGGTTGGAGAGC

>trans_s_6441 AJ506156| Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

AGTTATTTGGGCCCAGGAGGATTGACAGGGCGAACTGCTAGTTTTCGGATACGAGATATCCATCCTAGTCATT
ATGGACGCATTTGCCCAATTGACACGTCTGAAGGAATTAATGTTGGACTTATTGGATCATTAGCAATTCATGCA
AGGATTGGTGATTGGGGATCTCTCAGACGAGGG

>trans_s_6442 NM_129687| Arabidopsis thaliana GLU2 (GLUTAMATE SYNTHASE 2); glutamate
synthase (ferredoxin) (GLU2) mRNA, complete cds

GATGACATAATATCAGAAAGAGGAGCATGTGGAGTTGGATTTGTTGCCAACTTAGAAAAACAAAGCATCCCAT
AAGATTATCCAGGATGCTCTTACAGCACTAGGCTGTATGGAACACCGTGGTGGATGTGGAGCTGATAATGATT
CTGGTGATGGTTCAGGATTAATGTCTTCCTAGGGT

>trans_s_6443 D10152| Arabidopsis thaliana APK1b gene for protein kinase, partial sequence

CAACTAGTTTTTGTCTACGGCTCTTCTTCCAGATAACATTTCCAATAGAATGACTCCAAAACATAAACATCACT
TGATGTGGTTGCCTGACCTGCGGCAAGATATTCTGGAGCTGCATACAAGGTACTCGGAGTCCTGGTAGAGAC
ATTACTTTTACCGCCTGTTGCTCCTGTGTCTTT

>trans_s_6444 NM_123226| Arabidopsis thaliana proteasome maturation factor UMP1 family
protein (AT5G38650) mRNA, complete cds

TCTAGATTTCAAAGGCCTCCTGGGCCTATTCCATCTTCAATGCTGGGATTGGAGGCTCTTACTGGAAGCTTGGA
TGACTTTGGCTTTGAAGATTATCTGAATGACCCAAGGGAATCTGAATCATTGAGGCCATTGGATATGCACCAT
GGAATGGAAGTTTTAAGGTTGAGTGAACCAAAG

>trans_s_6445 Novel Gene

GGCGACCTCGGAGCAGAACCCAACTCCGAGCAGTACATGCTAAGACTTCACCAGTCAAAGCGAACTACTATA
CTCAATTGATCCAATAACTTGACCAACGGAACAAGTTACCCTAGGGATAACAGCGCAATCCTATTCTAGAGTCC
GCGCTGGTATATCTTGGGCATCATCTAGACAAC

>trans_s_6446 X96680| C.roseus mRNA for S-adenosyl-L-methionine synthetase

CGAAAGATGGTTATCGGTTACATTGTAGCAGCTGGTCTTGCTAGGAGGGCAATCGTGCAGGTCTCTTATGCC
ATTGGTGTGCCGGAACCGTTGTCAGTCTTCGTTGACACATATGGAAGTGGAAAGATCCCCGACAAGGAAATTC
TTAAGATTGAGAAGGAGAACTTCCTCTTCAGACC

>trans_s_6447 AJ346937| Nauclea xanthoxylon chloroplast DNA for trnT-L-F region, specimen
voucher Lorence NTB-930013.001 (NTBG)

AAACTGCAACGACCAGGCCCGGGGGATATGGCGAAATCGGTAGACGCTACGGACTTAAATCCGTGACCCCC
AACGCAAGGGTTGTCGCGACAGCGGTCCCTGGGCCTGAGAGGGTTTCAAGGCCGGGGGCAATGGGAAGTC
TAACCCGAAGGGGAAAAGGGTTTTTAACGATCTGGGC

>trans_s_6448 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

GACGAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACCTCTCTCTAAGAGGTCTAATGAGGTGGAAGGATAACGGGCC
GGTTCCTTGGGCCCAATAATACCCGATCCCATCCGGAGACGTAGAGGAACCACACCAATCCATCCCGAACTT
GGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACACATCA

>trans_s_6449 AL161592|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 88

GAGTGAGAAATGGGAAATTTTTTTTAACTATGATTCCTTTTTCTAAAAATTCGACTTTTACAGTTTTCGATTTT
TCACCAACAACCTGTTTATCCCATACATATATCTAGTCACAAGTTATGAATCATAGAATGATTATTCGATTCTTTTT
GCTCTGGGGGTATAGTATTAACAATCAA

>trans_s_6450 GQ131539|Nicotiana glutinosa cell division control protein (CDC48) mRNA, complete cds

GGTAGTAGCGTTGGGGATGCTGGAGGTGCTGCTGATCGAGTTTTGAACCAACTTCTGACGGAAATGGATGGA
ATGTCAGCAAAGAAAAGTGTCTTTATAATTGGGGCGACCAACAGACCAGATATTATAGATCCTGCATTCTTCG
TCCAGGACGTTTCGAGCTGGTTGATGTATAAAGGA

>trans_s_6451 AY681124|Citrus limon auxin-induced protein 22D mRNA, partial cds

CTTCTTCTCAACCAAAACCCAGAGCAGAATGGAATCCAATGTTACGTTTCACAACGATCTCAATCTTGAAGCC
ACCGAGCTTCGTCTTGGACTTCCCGAGTCGTTTCTGAAAGAGATGATTCATCCGCCGCTTCATCTGCAGTCAA
ACCTAATAACCTCTTCCGGGAACCTCCGTCT

>trans_s_6452 AY727953|Eurya japonica 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CACCTGCGTTATCTTTTAACAGATGTGCCGCCCCAGCCAACTCCCCACCTGACAATGTCTTCCGCCCGGATCG
GCCACGCTTCACCCGAAATGTCCAAAAGAGGGGCAGTGCCCCGCTTCGTTTCACGGAATAAGTAAATA
ACGTTAAAAGTAGTGGTATTTCACTAGATCCC

>trans_s_6453 Novel Gene

TTTGAAGGTCCTTTTTTGAAGAAAAACAAGAGGGCGATCCTCCCGGTGAACTGACCGTACCCCAAACCGACAC
AGGTGAACAAGTAGAGTATACTAGGGCGCTTGAGAGAACCATGTCTGAAGGAACTCGGCAAAATGACCCCGTA
ACTTCGGGAGAAGGGGTGCTCTCCTGCTCAAAGG

>trans_s_6454 EF011022|Medicago sativa DH mRNA, complete cds

AATTTATGATGTATATCGTTATCTTCCACCAGAACTTCAGGTTGTCTTGATTTCTGCTACCCTTCCTCATGAAATC
CTGGAGATGACAAACAAGTTTATGACAGATCCTGTGAGGATTCTGTCAAGCGTGATGAGTTAACTTTGGAGG
GTATTAAGCAATTCTTTGTCGCGGTTTCCC

>trans_s_6455 D67088|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 2 complete cds

CCGGCGACGCATCATTCAAATTTCTCAGGAGGCTCAATCAATAATCGCAGAAGAAATAAACAAATTTGAAGCC
TGGAAGGATTCTCTTGAAACTGTTCTACCATCAAGAAGTTCAGAGCTTATGTTGAGAGGATCAGGGCCGCTG
ATGATCTGTTTACAAACAGGTCTCGTTTGTCT

>trans_s_6456 AF389260|Nepenthes sp. Nickrent 3056 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTCAAGGAATTTTAACCCGA
TTCCCTTTTGAAGTTCGCGCTTCTATGAGACTCTCAAACCCCTTTTTCAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGC
AAGTGCCGTTACATGGAACCTTCCCTCTT

>trans_s_6457 XM_002891677|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

CGCTTATTTTCGTCACAGCAAGCTATCTCTGTGGGATTTGTTGGGTATCCCAATGTTGGAAAGTCATCTGTAAT
TAACACTCTACGGACCAAGAATGTATGCAAAGTTGCACCTATTCCAGGAGAACTAAAGTTTGGCAATATATA
ACTCTCACAAGAGGATTTTCTTGATTGACTG

>trans_s_6458 AP010820|Keteleeria davidiana chloroplast DNA, complete sequence

TATACGCCGGGCTCTCGCCCATCAGGGCGGACTGGACCCCAGCGCTAGAGTCGTTGCGTGCAAACAGTAGAC
TCGTAGTCTGACGACACTACTTGGAACGGTAGTGGCAAACGCAATTATAGCATCATAGATCATCGAGAGTTG
TCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACC

>trans_s_6459 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

CGCAAATACCCTGTGCGGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTAGCAAAGACTTGATCCTTAGGCGCATGTCT
CAGCAACACAAAACGAGGGTTTCGCTCGTTGTAAAGTCCAACCCAACACCTTACGGCACGAGCTGACGACAGC
CATGCACCACTGTGTCCGCGTCCCGAGGGT

>trans_s_6460 EF135618|Sauvagesia erecta 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGATGAAGTAACACAGTACCTTCCTGAAAAGCTTATCGGAGAGTGTGTAACAAGTGTGGACGGCTATCAACTA
GCCCCGAAAATGGATGGCGCTGAAGCGCGCGACCTATACCCGGCCGTCGGGGCAAGAGCCAGGCCCGCGT
CTGCTTCTTTATATTATTGGCGCATGGGGTTCCCC

>trans_s_6461 Novel Gene

CGTATTAATAATATCATGAATAACAATATCGGAGCTATCAAATCGATTCATCGTCGAGAATTGAATAGTATAACA
TAGGAAGATCTTTTATCCATACCGAATTTAAACAAAATGGGTTTTCTGTCGTCATCAGTTCAAGTCTACCGGTCT
GTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTG

>trans_s_6462 NM_001069203|Oryza sativa Japonica Group Os09g0248300 (Os09g0248300)
mRNA, complete cds

GCTTTTGCATTTGAACTTACACAGGAGTTCTCTCCAGTGCCATTGCTGAAGTCCTATCTAAAGGAGGCAAAGAA
AGTGTCTTCACCTGTCAGATCTGGAAATACATCCCAAAGTGCACAGAATGATGTTAGTGACAGAGAGCTGACC
GCCCTTAAGGCCGTATAGTTCACGTAACCTCT

>trans_s_6463 AY189087|Micropleura renifolia 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

GGGGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTGAGGAATTTTAACCCGA
TTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTCAGCGTCTCCTCTCAAACCCCTTTTTCAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGC
AAGTGCCGTTACATGGAACCTTCCCTCTT

>trans_s_6464 EU814513|Nicotiana tabacum peroxisome biogenesis factor 14 (PEX14) mRNA,
partial cds

AATCCTTGCAACGGCAACTCAATCTGCTCCTCCTTCTTCCAATGACGACAATTCCCACAATTCTGCTCCAGCTCC
AGCTCCTGCACGAGCTACGATTGAGGATCATGGAGATGCGAAGGTGGAGGTTGAGAAGCAAACCTCTCCGCC
ATCGGTGTTTGTAAATTCTGAACCTATGAGAG

>trans_s_6465 EU580727|Citrullus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA,
complete cds

CCATAAAGTTATAGCAGTTGGAATTTCTGTTGGAGTGGGATTACACGCAATCGCTCATTTGGCTTGCGATTTCC
CTCGGCTTCTTCACGCAACAGAGGAAGAATATGAACCACTGAAACGATTCTTTGGAGAGGAACAGCCTGATA
ATTATTGGTGGTTTGTAAAGGAGTGGAAGGTG

>trans_s_6466 Novel Gene

ACCTGGGACCCTGAAACGCACTTAGTTAAAGATTTTACCCACCCAATAGTAAAATCCTGCAAATAAAGCAAAA
ACGGCTCCCATAGAAAGTACATAATGGAAATGTGCAACCACATAATAAGTATCATGTAGAGCAATGTCTAGCC
CTGAATTTGCCAGGACTATTCCAGTGAGTCCTC

>trans_s_6467 AJ401354|Cuscuta europaea chloroplast 16S rRNA gene

TAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTAAGAGGTCTAATGAGGCGACTCTAACAGTACGTGGTG
AGACTACTATACGACTATTCAAAGAGATTTGGGTAACTAGACTTAGAATCTCATGGAGAGTTCGATCCTGG
CTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGCTTAACACAT

>trans_s_6468 NM_102567|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT1G28020) mRNA, complete cds

TGGAGGGCGAAGGAATCCTCCGAAGAAGAAGGATTATCAAATAAGTCGAAGAAGAAGGATTATCAAAAAA
AGTGATCATAAGGCTGGCGCAAATAGTAGTAGAAAAAAGAGTATGAAATTGAAAACGTAGAAAGTAGAGGC
AGATTGAGGTCAAACCTCAAACAATTGAAATTCCCTT

>trans_s_6469 D67088|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 2 complete
cds

CAGCTGCTGTAGAGCTTGACAGAAGAAGCTCCAGAATCTTCGTATGCTACTGCAAAAGTGATGGTAGTTGG
TGCTGGAAAAATGGGGAAACTTGTGATCAAACACTTGGTTGCAAAGGATGTAGGAAGATGGTGGTTGTGAA
CAGAACTCAGGACACGTGATCGTAGAGCTCGTTC

>trans_s_6470 DQ649301|Oryza sativa (indica cultivar-group) cultivar Swarna masuri U4 snRNA
gene, complete sequence

GAACAGCCCGGATACAACAGATTCTAAAAATAAATGAAATAGACTGTCGCCCTTCTTGCGAGGCGCGTCTATT
GCTGGTTGAAAACCTATTTCAAACCCCTTTTCCGGACCCGAGGGGGGGGAAAAATCTCCGGGAGTTCCTT
TAGAAAGAATTTGCCCTAAAGCATTGGTCCCT

>trans_s_6471 NM_116964|Arabidopsis thaliana EXO (EXORDIUM) (EXO) mRNA, complete cds

GGGAAAGGGGCTTACCCTGGTTACGCCGGGGAGTTGTTGACGGATTCAAGTCACAGGCGGAAGCTATAATGCC
AACGGCGGTAATGGACGGAAATACTTGCTCCGGCTTTGTATGATCCTGCTACATCGGCTTGTCCACTTTAGT
TTAAGAAAAAAAAAACCGCCCCCAAACCAAAAA

>trans_s_6472 NM_129255|Arabidopsis thaliana SIGF (RNA POLYMERASE SIGMA-SUBUNIT F); DNA
binding / DNA-directed RNA polymerase/ sigma factor/ transcription factor (SIGF) mRNA, complete
cds

CTTCTTCAGTTTATATGTTTTCTGAGCAAGCGTCTCCTGCTCGATACTTTTCAACCTCATTTCTTTCACAAGAACA
GCACCATGAGTGTAGACCTCAATCGCAAATACTCAAGGATGATAGAACATCCCAGATGACTCTAGATCTCTCC
GAGATCGAGAGGCTGTGGAACAGATCAGAG

>trans_s_6473 NM_001161149|Arabidopsis thaliana GAD5 (glutamate decarboxylase 5);
calmodulin binding (GAD5) mRNA, complete cds

GAGGGAATAGAGAAGATGGGAAGGTTTAATGTTGTTTCCAAGGATGTTGGAGTGCCCTGGTAGCCTTCACA
CTCAAAGACAGCAGTAAGCACACTGTGTTTCGAGATATCAGAGAACCTGAGGAGGTTTGGATGGATTGTGCCA
GCTTACACGATGCCCACTCGTAGACATGCGCGC

>trans_s_6474 AF183485|Sphaeroplea soleirolii var. crassisepta 28S ribosomal RNA gene, partial
sequence

TTGCATATACTGGGTGAATGTTTACCTCTTAACGGTTTCACGCCCTCTTGAAGTCTCTCTTCAAAGTTCTTTTCAA
CTTTCCCTTACGGTACTTGTTGACTATCGGTCTCGTGCCGGTATTTAGCCTTAGATGGAGTTTACCACCCGCTTT
GGGCTGCATTCCCAAGCAACCCGACTC

>trans_s_6475 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TCATGAATAACAATAGATTCTAGCGACCCGATCGGACGAGTCGAGAATTGAATAGTATAACATAGGAAGATCT
TTTATCCATACCGAATTTAAACAAAATTTCCAAGGACCCAACAGAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCC
TCAGCTGCATACATCACTGCACTTCCACTTG

>trans_s_6476 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

TCGCAAGCTTTTATATCTCACCAGAGAGAGCCTTCCAGATTACTCCCGCTAGCAGAGGCGGCGAGAACGTCAT
TGTCGCTAAACGGTAGATGTAGCTTAACATGGGGCAATTGTCAGTCTTATGGACCCGAACCTGGGTGATCT
ATCCATGACCAGGATGAAGCTTGGGTGAAACT

>trans_s_6477 BT030338|Arabidopsis thaliana At2g26280 mRNA, complete cds

ACCTCATTGGTAATAAGGCTCTAGCAAAGGAACTAAGTGTAAGGGACAGTTACATAATATGCACATGAAGG
CAGCTCATGGAAGGGCCCAAGAATCTACTTATCGGCAGAGGAATCATTTAGGTGGAGACAATCAAGGAAATG
GAAGGGGGCACGAACGTATGATTGACCTGCCCGG

>trans_s_6478 U53418|Glycine max UDP-glucose dehydrogenase mRNA, complete cds

TTTGAAAACTTGGCTCTCGAATCCGTGCCAACGGAATAGGCTACCTGTGAAACATTTGCACCAAGTGGCTTCA
CACGAGACAGAAATAGCATTACAGATGAGATTCTCTGAGCCAAGAAAGCATTAGCAGCAAGCTTGGAGAGC
TCAGCAGACCAAAGATTGGTAGTGAGAATTCGG

>trans_s_6479 FJ626482|Euptelea pleiosperma 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCACGCAAGATGATTATCAGTCTTAGGAGTGAAGTGGAGGGATCTTGTTCAAAGTACTACGAAAGCGAGAGA
GAGACTACGGGGTCAGGGTAACTTCAACCTTCTTGGAGCCCGCGGGCGAGTTCTATCGGGTAAAGCCAATGA
TTAGAGGCATCGGGGGCGCAACGCCCTCGACCTA

>trans_s_6480 AY106028|Zea mays PCO064808 mRNA sequence

TAGTGCTGTCATGTTCTCCCTGATCTTCTGGATTATATACGCAAGAGAACGACGACATCGGGTTTATACAAAGC
AGTTTATTTCTAGAGCTCCAGGAGGAGAAGACAAGGGAACTAGATATCAATCCCATATACTCATGATATTAC
ACTAAACACTTCTCGAGTGTCTTTTTGTCTT

>trans_s_6481 AM260507|Platanus acerifolia partial mRNA for oligouridylate binding protein (ouBP
gene)

AGAAGTGTGTAGAGCTTACATCTGGAACCTTCAGATGGTGGTCAGGAGAAATCCAATGAGGACGCACCTGAG
AACAATCTCAATACACAACCGTCTATGTGGGAAATCTTGCTCCTGAGGTTACTTCAGTTGATCTCCACCGTTAT
TTTCATGCCCTTGGTGCCGGGACAATACTTC

>trans_s_6482 AF370437|Mercurialis annua type androdioecious ribosomal protein L32 (rpl32)
gene, complete cds

CACCTTCAAAGAAAAAATTGAATGTAGGTCTAAACCAGGCCCCCAAATCAGAAAGAATCAGAGGGAGCAG
ACATGTTGACCTGTGAATTCGATCTCTGTGCACACTACCATGCTTCCTTCATTCCTTTATTCCAGAGCATCGGCT
TATTGTACACAGACGGATTCCATAAAACCTT

>trans_s_6483 NM_105512|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related
(AT1G68410) mRNA, complete cds

GGAGATCTCCTGACAAGCATAGCAGAACCTTCTTCAAACAATTCTCCACAACACCAACAGCAGAAAGTTTGTT
AGCAGATTTACCCAAAGAGCTTGGATATTTCTCCCAAAGAATGAGGTGAGCACATTTTGCTTCTTCCTTGGAG
TTGATGGTGATAAAATAGGTTGCTCAGATG

>trans_s_6484 EU526907|Solanum lycopersicum centromere-specific retrotransposon-like repeat
TGRIV, partial sequence

AAGAAAGATTAATATTTGTTTATTTGGAATTATACTTGTAATTTGGAGGGAAGATTTGGTAGTTTTTAGGTGAT
TTTAGGGGTTAGTAGTAGTTTAGTGGTAGTGTGTTTACATCTTGAATCAAGAGACAAAGGGATGTAATG
AAACAATGTCCCTCTCCACTTTCTCTGGCTT

>trans_s_6485 EU002409|Euonymus americanus photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein
(psbB), photosystem II protein T (psbT), photosystem II protein N (psbN), and photosystem II
phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

ACGAGAAAATGTGGAAGAGCTTACCTAGAGATAGTTGTTGAGAGGGTTGCCAAAAGCAGTATATAAGGCAT
ACCCAGTAAACTTACAAGTAAACCAGATATAAAGATGGCAACTAGGGTTGCTGTTCCATTGAAATACGAA
TGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCG

>trans_s_6486 GQ998564|*Oxalis latifolia* voucher FLAS:M.J. Moore 316 ribosomal protein S12
(rps12) gene, complete cds; chloroplast

CGGACAGTGGAGCCCCCTGATCTTACGGGATCCGTGTTTGTGACACGGACAAAGTCAAGGAAAACCTCTG
AAATTATTTCAATATTGGACCTTGGACATATAATAGTTCCGAATCGAATCTCTTAGAAAGAAGATCTTTTGTTT
GTCTCATGGTAGCTGCTCCAGTTCCTTA

>trans_s_6487 GQ983594|*Viburnum opulus* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTTCTCTGGCGAGGGGAGTGGGCCACTAAGTAAACAAAGTGAGGGTGGCTCAGCCGGAGGTAGGGTCCA
GTGGCTGGAAGAGCACCGCACGTCGCGTGGTGTCCGGTGCGCCCGGCGGCCCTTGAAAATCCGGAGGAC
CGAGTGCCTCTCACGCCCGTCTGACTCATAACCG

>trans_s_6488 AY116647|*Ascarina lucida* ribosomal protein L2 (rpl2) gene, partial cds; chloroplast
gene for chloroplast product

GCAGTAAAAGAGGGGGTTCACGCCCTATTTACTTCGGTGGGCGGATCCGGGCGGAAGACATTGTCAGGTGGG
GAGGGGTTAGTCCCCTCAACAGAAAAGTGAAGAGTAACGGCAGCAAGTGATTGAGTTCAGTAGTTCCTCATA
GCCGGCCGCCAGGTTGTTGGCCCAGAGCAGTAT

>trans_s_6489 M82366|*Trochodendron aralioides* 18S ribosomal RNA (18S rRNA) bp 1502 to 1688
in mature rRNA

ATAGCCTTGGCCGACAGGCCCGGTAATCTTTCCCGGGACGCTACAGCAAAGCGAGCTGCCATGGCCACC
AACTCCTGTGCTCCTTAAGGATCATTCGGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACA
CATAAATGATACCCAGTAGCGTCACGAAAAG

>trans_s_6490 FJ965289|*Camellia oleifera* acetyl-CoA carboxylase carboxyltransferase beta subunit
mRNA, complete cds

GTCTGACTCGATCTAGCTTGTGAATGGGATCCAAAGAGACCATGTCTTCATCCATAGGGTCCCAAGTACCTGG
ATCAATCAAAAGTTCGATTCTATCTGAACTACTCATTTTCAAATGGTATCCACATTGTTGACAAATATTCATTTT
GATTTAAAAATTTTCTTTCGGCTTAATC

>trans_s_6491 NM_119156|*Arabidopsis thaliana* tRNA-splicing endonuclease positive effector-
related (AT4G30100) mRNA, complete cds

GAAGAATCTTTGGCCAGAGGTTTACTACTACCTTTAACTTTAGTTTCTGTAATCAAATATTGAATGAAATGTA
AAGAAAGGCTCGCGGGTTAGCATAATGAAGGGGATTTTGGGAGTGCTGCTTATGCCACTATCTGCTCCTGCT
CCGCATACAACCTGCTGCTCCATCCAGGATG

>trans_s_6492 AF249632|*Dacrydium araucarioides* ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase large
subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

ATTTAACTTGTTTCATACCAGCGGGAGATAACCCTACACACTATTAACCAAAATTGGGATTATCCGCTAAGAAT
TATGGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTACGTGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATGATGAAAACGTGAATTCCC
AACCATTTATGCGTTGGAGAGTGGCAAAGG

>trans_s_6493 NM_202684|Arabidopsis thaliana HMGB1 (HIGH MOBILITY GROUP B 1); DNA
binding / chromatin binding / structural constituent of chromatin / transcription factor (HMGB1)
mRNA, complete cds

GCCGGCCGGGGGACGGACTGAAGGGTAAGGGAACATCAAGGGTCTCCAAAGAAGCTTTGAAGCCAGTCGAT
GATAGAAAGGTTGGGAAGCGAAAGGCTGTTGTTAAAGCTGACAAGGGTACCAAACGACCAACAAAGAAAGA
TTTGAAAGCCAATCACGATAGGTGTCACTGTGAAG

>trans_s_6494 Novel Gene

AGTATTTTAGGAACATCAGCCATCTCTCCCAAATTGAAAAAGGATAATTACTATGATACATTGTATAAAAAAT
AGAAAATAAAGGCTTGAAAAAGCCCTTCTTTATCTCTCTTTATTATCTTTATCTACCCCTTTATAGATATATAAT
TTCATTATATTGCGCCGCCGTTAATGG

>trans_s_6495 AB468825|Mimosa pudica EF1a mRNA for elongation factor 1 alpha, partial cds

ACAAGTTATCATCATGAACCATCCAGGACAGATTGGAAATGGTTATGCACCTGTCCTCGATTGCCACACATCTC
ACATTGCTGTCAAATTTGCCGAGATTTTAACCAAGATTGACAGGCGATCTGGAAAAGAACTGGAGAAAGAGC
CCAAGGGGGGTCCTCCATTCTCGTAGTTCGG

>trans_s_6496 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

CTTATGGATCCCCGCGCTCTGTTGAGAGAGATTCTTGAGCCGTCTTTATGAGATTGTCATGCACCACTCTGAT
GATATGTGCTGATAAGTTTCTCTAAACCCATTGATCTGAGAGAATCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGG
ATGAACGCTGGCGGCATGCTTAACACATGC

>trans_s_6497 AY105269|Zea mays PCO145555 mRNA sequence

CAACTTAATCAGCACCCCTTTGAGAACCAAGGTAATAACATCTGGAGTATTGGTTGCATTGAGCGATGTGACTT
CCCAGAAGCTTACTGGCATAAGAACTTCAGTTGAAGCGAATTTTACTCAAAGTGCTTTATGGATGTCTTTAC
CTTGGACCTTTTAGGGTAAATCTGGTTTGT

>trans_s_6498 DQ086327|Symplocos wikstroemiifolia voucher Ye HSD S015 tRNA-Cys (trnC) gene,
partial sequence; PetN (petN) gene, complete cds; and PsbM (psbM) gene, partial cds; chloroplast

AGCAATAATGGAATAATTCTTTTATATTCATAGAGATAGGGGACATAATTCACATGGATATGGTAAGTCTCGCT
TGGGCTGCTTTAATGGTAGTCTTTACATTTTCTTTCCCTCGTAGTATGGGGAAGAAGTGGACTCTAGAAGTA
CTACTAATGTCCTGTATTTTGAACGCCTC

>trans_s_6499 AY362608|Polypodium rosei ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large
subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

ATTTAACTTGTTTCATACCAGCGGGAGAATACCCCTGTGCCGCGGCCCAACCCATTGGGATTATCCGCTAAGAA
TTATGGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTACGTGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATGATGAAAACGTGAATTCC
CAACCATTTATGCGTTGGAGAGTGGCAAAGG

>trans_s_6500 CP001334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 16, complete sequence

GGGCTACATTTTCTACCCAGAAAACTACGATAGCCCTTATGAACTTAAGGGTCGAAGGTGGATTTAGCAGT
AAACTGAGAGTAGAGTGCTTAGTTGAACAGGGCCCTGAAGCGCGTACACACCGCCCGTCACCCTCCTCAGAC
GCGTCCTGGGAAGTCCCCGGTCGGGGTTTTT

>trans_s_6501 EU916256|Glycine max germin-like protein 8 mRNA, complete cds

GGGGGGGTTTGAAAAAAACCTGTTTAGCGGGTGGGACTCCCCCTCACAGTGGAAGCATTCTCTGCAAG
GGAAGCCAGAAGGGGTATCAGGAGACTTGAGGTCGGCGACGCAAAAGTCTTGAACAAGAGCGTCGGAAAG
GGAGGCTGCAAGGAAGGAGAAGGCGAAGTATCAT

>trans_s_6502 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
3-5

AAATGGCACTCATTTGTTTTTCGCCGCTTTGGGTTGTGGGGCTTACTTCCTAGCCTCAGTGGGAGTAGTGACTA
GCGTTATAGGTTGTTTTTATTATATACGCTTAGTGAAAAGAATGTTTTTGTATACACCTAGGACATGGATTCTAT
ATGAACCAATGGATCGTGAAAAGCTAC

>trans_s_6503 X56233|P.deltoides mRNA for malic enzyme

AAGAAAAAGGACGGGCATGGAATTTTTGTTGTGCCGTGGGTCTCGCAATAAATTATATCCACTCGCAACAGAC
ACGCTCCAAGGTGTCATGATTTGTTTCATCCATGGCAGCGGCAGAATCTTCAACATAGGCATCCTGAGCCCAAG
AGCCGGCGGTGGATTTGGGTTCCTTCAA

>trans_s_6504 X58118|F.ananassa 26s rRNA gene

GAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTGAAAGTTCGAATCCAGC
GTCTCAGAGACCCCAAAGGGGGCAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCT
TCCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATT

>trans_s_6505 X58118|F.ananassa 26s rRNA gene

CTGCAGAAACCTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTC
GAAGTTCGCGCTGTCAAAGAGGAGAGTTTTGGGAAAAAGTCTCTTAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGC
CGTTCACATGGAACCTTCCCCCTCTTCGGC

>trans_s_6506 NM_126229|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G01680) mRNA,
complete cds

CGGAGTTCCAATTCTTGTTGCAACTCTTGCAAGCATGTGCTACTTGGTTTTTCGACAACATTTTGGTATCTTTAG
CAGTGA CTCTCAAAGACGAATCAGACGAGCAAGTGAAGCAAGTCTTCTCATGGCCTCACTCGGTAAACATA
TCTGATGATGATGATTACAACCTCCGACC

>trans_s_6507 NM_001069758|Oryza sativa Japonica Group Os09g0425900 (Os09g0425900)
mRNA, complete cds

CGTCACCAACAAAGGCGCCGAAAAAGTTCTTTGGAACAGAGGATATAAAGAGTACAGACTCGGTGATTACTC
CAACTGGCTACAGAATCGCGTCAGGAACAACAAAGATTGGAACAGAATCAGAAGCTGTTTAGTCGACAATGG
GGTCTGTGCCAGGCCACCAACTCAACCTATTT

>trans_s_6508 AF389260|Nepenthes sp. Nickrent 3056 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATCTTAAAAATAACTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAA
CCCGATTCCCTTTTGAAGTTCGCGCTGTCGGTCTCCTCTCATTTGGGAAAAAGTCTCTTAGGATCGACTAACCC
ATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTT

>trans_s_6509 NM_001061858|Oryza sativa Japonica Group Os05g0364600 (Os05g0364600)
mRNA, complete cds

CGGGTGATATTCGTGAAAAAGAAGTGGAAGATTTATTTTACAAGTATGGTTCGCATAGCCCACATTGATCTCAA
GGTTCACCAAGACCACCTGGTTATGCATTTGTTGAGTTTGAAGATGCCGAGGATGCTCACTCGTATCGGATG
TTAATGTCGTTAGCGTCGCCCAGCAATTAT

>trans_s_6510 AY102787|Scaevola wrightii 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAAATCAAGATGGATAAATTACTTAGTCATGTCAAGTTTTTCGAGCAGCGGACAAGGGCAGGCGTTGTGTATCG
CATGTTTGCCAGGAATGGCGTGGAGCAGAGCTGTCGGAATTTGTTGATTCTCTCTTGCCTGTTTGCTGCCCTCT
TATTTTTGGTTGTTTAGCAATACCAAACC

>trans_s_6511 AY077642|Cucumis melo galactinol synthase (GAS1) gene, complete cds

TATGAACCTGATCTTTTCACTTACAAGGATCTTCTTGAGACTTGCAAGGCCACTACTCCACAGGGTGGGTAGTC
TACTTCAGGAGGTCCACGTGCAGGACCATCACGCGCACCTAAACGGAAGAAACGGGCACCAAGATGACGTTA
ACGTGGTGTTATGACGAAGTCTTTGTAACA

>trans_s_6512 XM_002889631|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SIT4 phosphatase-associated family
protein, mRNA

TGTAGTAGTGTGAGCCTGAGCGATGATATAACCACCTCGGCAGATTCATCGACTTGATCACATCCTCGTCATCT
TGAGCAAGAGATCTAGGGTCTCCACGGTATCGATATTTCCATACGATTATATCTAAAAGCCTGGTTTAAATT
ATTTGCTAATGCTGCCACATCATAGTCT

>trans_s_6513 GQ998663|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

GATTGTAGCGCACATAAGGGATTATAAGGCTTCCGATAGTCATTTATTTAATGGGTGGATAGGCGTATACTCT
GGATCGGAATCGTGGGGAGTACTGCCTGATCATTTCTACAACTTAAAGCCCCAATTCGTATTCTTTTATATT
ATGCATTTTGCAAAAGAGTCCTTCTCTCT

>trans_s_6514 GQ997364|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 ribosomal protein S15 (rps15)
gene, complete cds; chloroplast

TGGAGGATCTGTTGAATTTCAAGTAGTCAGTTTCACCAATAAGATACGAAGACTTACTTCACATTTGGAATTGC
ACAAAAAAGACTATTTATCTCAAAGAGGTCTACGTAAATTCTCGGAAAACGCCAACGATTACTTTCTTATTTA
TCAAAGAAAAATAAAATGCCAATATTTTC

>trans_s_6515 AF110441|Halimolobos perplexa var. lemhiensis alcohol dehydrogenase gene,
complete cds

AATGAATAATTACAAATAAAGTTTAGATAGACGCTTCTGGGTGGTGTGAATGTCGGATTCTGTCTTGACCCT
TTCTAAATCTGGAGTATATCTTTGAAGTTCTGGACATGTTTTGCTTTTCAACGTGTTCTGTATGAAGTCTTGA
TTATCCTCGGACACTCAGTGACCATAA

>trans_s_6516 XM_001697689|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TCTGGCGTCTGGGAAGCAGGCTGGTAAAGGGATTGACTTGAGTGAGAAGGTGGTTGCTGAGGATGTAGAGC
AATTGAAAGAACAGGAAACGCCTGGTTCTTCTTCTGACGAGAAAGCTGTTTTGGGAGACCAAGCAAGCTCTAA
GCTTGTGAAACTAGCAGATGAAAAACAAGAAG

>trans_s_6517 NM_001055025|Oryza sativa Japonica Group Os02g0814200 (Os02g0814200)
mRNA, complete cds

TAAGAGACTTTTCTTCATTTTCTCCTCTCAAGTATCTCATCTACACTCCCTCGTACCATTCACTACACCATACCC
AATTCAGAACCAACTATAGTCTATTCATGCCAATATATGATTACCTATATGGGACAGTGGACAAGAATTCAGAT
AGTTTATATGAAAATTCATTGTAA

>trans_s_6518 NM_180495|Arabidopsis thaliana proteasome family protein (AT5G15610) mRNA,
complete cds

AATCTGCCCCGATTCCATATGCTCTCATCAAGGACACTCTTCAGATCAATGATGATGAGGTGGAAGTGTGGGTC
GTGAAGGCCATTACGTCCAAATTGATTGACTGCAAAATGGACCAGATGAACGAAGTTGTGATTGTGAGCCGC
TGTAAGTACCGTGTGTTTGGACACGTAGTG

>trans_s_6519 GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

GGGGATATTTGAGGGTGAAGCACCACAAAAGAGCACCCCAGGTTTAAGAGAAAGGGTGATGACCTCTTCGTG
GAGCATACCTTGCTCTCGTCGAGTCTCTTGTGGTTTCCAATTTATTCTGACTCATTTGGATGGCCGACAGCTA
CTCATGTTTAGTGAAGGGCCGCTTCATC

>trans_s_6520 EU750064|Salix exigua voucher OAC:JAG344 23S ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

GGTCCCCATAGAACTGTCTACCTGAGACTGTCCCTTGGCCCGTAGGTCCTGACACAAGGTTAGAATTCTAGCT
CTTCAGAGTGGTATCTCACTGACAATCAAAATTTTTTAAGGGGGGGCTCCTCTCGCCTTCCACCTAAGCTGC
GCAGGAAAGGCCAAAGCCAATCCCAG

>trans_s_6521 XM_002874657|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATGPX6, mRNA

AAGTGTGCTGGATCTGAATCTCTTTCAGGATATAACAATGGAGTTCCTTACAAGGTGCATCACAATCACAGA
TCACATCATGGACTTCACCAAGAGTACTTAATGAAGCCACAACATTTGTACCTGCTATGATTTACCATCTCAA
GATTCAGAATGAGGCAGGTACCAGGCT

>trans_s_6522 AB052228|Cucumis melo var. reticulatus Cm-ETR1 mRNA for ethylene receptor,
complete cds

CTGACCAGGTAGCAGTAGCTCTTCTCATGCTGCAATCTTAGAAGAGTCGATGAGGGCTAGAGATCTCTTAAT
GGAGCAGAACGTTGCTCTTGATCTTGCCAGGAGAGAAGCAGAAACGGCAATACGAGCCCGGAATGATTTCTT
GGCTGTCATGAACCATGAGATGAGAACTCC

>trans_s_6523 Novel Gene

GGACTAGCTCCTCCTAGGTTATCTTACAAAACTAGATAGACCTTCTGATGAAGTGTGAACGTGAACTTCTTTT
TCTTTTCGCCAGGTTTCATTGATTGTTGTGGATTGGATGATGGAAAAACCAGCAAGCCATCCACAAGGGA
CGCATCTTGACCCCCAGTGGAGGGGGTC

>trans_s_6524 AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

ACCAGGCGCCCGCGACTGTTTACCAAAAACACAGGTCTCCGCAAAGTCGTAAGACCATGTATGGGGGCTGAC
GCCTGCCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGACTCACAAAGGGGGTCGCAGTGACCAGGCCCGGGCGAC
TGTTTACCAAAAACACAGGTCTCCGCAAAGTC

>trans_s_6525 AB232773|Ipomoea nil InMYB1 gene for R2R3-MYB transcriptional regulator,
complete cds, strain:78WWc-1

GTCATATTCTCTTTCTCCTTTTCTTTTCCCTTCAACAAACATTACTCATTTCTATCAAAACCAAGAGACAATGA
ACAAAGTTCTCCGTTACAGTTGTTGTCTTTTCGTGGTGGCCGTTCTTGCCAGAGTTCTGTGTTGTGAGAATA
ACAGACCATGGTTTCACAAGACCAG

>trans_s_6526 GQ916670|Retama sphaerocarpa 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene,
partial sequence; chloroplast

AAACGTTACCGGCTGTATCTCGATCTCAAGGCAGTAGATCATCCACCAGACTTTTTGGTTCTTGTCTCCGAGGT
TCAAGGACACAGATGTACAACCTAAGTACAGGTAATCCCTGTTGAAGGTCGTTGAGCTTTCTCTGGGAGTA
TGGCATGGGTTACTTCAGCGCCGTAGCG

>trans_s_6527 AY968423|Xerosicyos danguyi 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCAATGGGGAGCCACAGGCCGATGCCAGGAGCGCGCAGATGCCGAAGCCCGCCAGAAGGCGCGCGCTGCC
AGCCACGATCGTGACTTATCATGAGAACACGGCGTAACAAAGGCCTGGGCGTAGGCCGCCGTCTCAATCCGC
ATCGGTCCATGCCCCAAGTCGATTGGCGGACC

>trans_s_6528 NM_001057992|Oryza sativa Japonica Group Os03g0781400 (Os03g0781400)
mRNA, complete cds

AGATGTAAATATGACATCCAGTACGTTATGCCCTTCTCTAGTGACAAATGGGAAGTCGCCCCCAAGGGGACCT
GCATGCCCAATCGATGGCCTCCTCCATACCTCTGCATCGCCTAGAAAGAGATCGTCAATTTCTTCTGCAGTTTG
CATCCAGTTAAGAGAATTCACTAAAACT

>trans_s_6529 AF017156|Cucumis melo 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCCAGACTCCTATGGGAGATGATGACAAAAGGCCCTTATGGCAAATAGGGATTGAGTAAGATGGCATTATA
CAAGAACGAGGAATTCGTAACTACAGGTCCTCCCCTTAAGAATCCCACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTT
GCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATT

>trans_s_6530 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

CTCCAGAAGTCGGGGTTTGTTCACGTATTAGCTCTAGAATTACTACGGAAACACCAGCAAAGTAACTCAG
CGTCGATCGTTTGGGGAAAGTATGACTCTCTTTCAAAGTCCTTTTCATCTTCCCTCGCGGTACTTGTGTTGCTA
TCGGTCTCTCGCCCATATTTAGCCTTG

>trans_s_6531 AF370605|Arabidopsis thaliana axi 1 protein-like protein (At2g44500; F4I1.31)
mRNA, complete cds

AGAATATAAAAAATCAACCACTGGAATCGTTAGTGAGAGGACTAAGTATTTGATGGTGGTGGTTTCTGGTGG
GATGAATCAACAGAGAAATCAGATCGTTGATGCTGTTGTGATTGCTAGAATAGAACCCCGACGAAACCAACA
AGGTATCTTGCAAGTGAACGTTATCTGGGGG

>trans_s_6532 EU002522|Melianthus comosus RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

AACCCATGCCATACTCACGAATATCAATCCATTTTTTCTATTTATTCCAAGACAAGGGTCCACAATCTCCGAG
TCAAAATCAAGGAACTATTCGTACGTTGTTCAATAGAAATAAGGAACGCCAATCTTTAGCGGCCCCACTGATG
CTAGGCCACCCATGGGCAAGCTCGGGA

>trans_s_6533 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGAGCCCTTCTCAATAGAAAAGACAAATTGTCGGACGGGTGGGACAGAAACGGCTCAGCCGGAGGTAGGGT
CCAGTGGCTGGAAGAGCACCGCACGTCGCGTGGTGTCCGGTGCGCCCCGGCGGCCCTTGGGGGCCCGGAG
GACCGAGTGCCTCTCACGCCCGGTCTGACTCAT

>trans_s_6534 XM_002884166|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AtRPN1a/RPN1A, mRNA

GCCTCCTTTGTATTTCAAACCCCAAGGTTAATGTTATGGACACGTTAAGCAGACTGAGTCATGATACGGATTCTG
GAAGTAGCAATGGCAGCAGTGATCTCCTTGGGTTTGATTGGTGCGGGAACCAATAATGCAAGAATAGCTGGC
ATGCTTCGAAATCTTTGAGTTATTACTA

>trans_s_6535 XM_001697871|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GAAGAAGAGGAAGAAGAGGAAGTGGGGGAAGAAAACCTTTAGAGAAAAACCAGCAACGAGCTTCTTCCAAG
GAGTACAATCCCCACCCCTCTTGCTGCTGCTTCTAGTTCTTAGACTTCTCCTGGCTTCATATCTTTGTATCAT
ACCTTCAGAGATAACATCTCTTAACCCCTG

>trans_s_6536 BT008376|Arabidopsis thaliana At1g70820 gene, complete cds

AGGCGATAGCGGAGAGTTTCTCGGAGTGGGTAATCAATGGGATGGAAACGAGGCGGAGCGTGAGTGTTTCG
GTCGGGAGAGACCCGAGAATTTCCGGCAGTGCTTTGAGTGCTGCGGTGTTCCGCGGAGTTAGTAGGGCGGG
GTGTTTGGTGTGTCGCGTTTCAGGTAACCCGG

>trans_s_6537 AF017157|Cucumis sativus 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATTACAAGATCTGTATAATGAAATTCCAGGTGGGCGAACACTTTGCCTGCCAGGGGCTGGTCATGGACAGG
CGACGGACTAGTCACCCTGATCCGTTCCCGTCGTCATTCAAGTGACCACTGCAAATACCCTGTCGCGTATTAA
GTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCT

>trans_s_6538 DQ673259|Jasminum subhumile psaA-psbB fragment, chloroplast

ACCGGCAGCCTCTAAACAATGCAAAAAAATGCATGTTGGGTCTTTGAAACAGTTCAAATCATTTTGATAATAAT
AAGTTTGATCTGTTTTACCGAGAAGGTCTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCAATAATCCTTTGCAGACGA
CTTAAATACGCGACAGGGTATGGTTTA

>trans_s_6539 GQ998598|Plumbago auriculata voucher FLAS:M.J. Moore 306 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit I protein (ndhI) gene, complete cds; chloroplast

ATGTCCTATAGATCTCCCCGTTGTTGATTGGAAATTGGAAACGGATATTCGAAAGAAACGATTGCTTAATTACA
GTATTGATTTCTGGGATCTGTATATTTTGTGGTAACTGTGTTGAATATTGTCCAACAAATTGTTTATGTTACTG
AAGAATATGAACTTTCTACTTATGAT

>trans_s_6540 GQ997939|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 envelope
membrane protein (cemA) gene, complete cds; chloroplast

GAGTTAGGCGCTGCCTGGGGGGGTTTCGATTGACCAGTATTCCACCAATTAGTAACCCAAGATTCTAGGCTTT
TATTAAATGAAAGAGAGATCCACCAGGGCAAAAATACTATAGATGCAAGATATAGAAGGGGAATGAATGCG
GTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATC

>trans_s_6541 EF438090|Eriogonum hoffmannii LEAFY gene, partial cds; chloroplast

AGTAATTCTGAGCGACTTTTAAGCGACAAAGCAAATTCAAATCTCTGTTTTCTGGGTTGGTGGACCGTTTTCGC
GCCGAGATCTAAGTCATCTGGATTGTGTTGGAATCGACTGGCTGAATTTACTTACCGTTTCGTTCTTCTCTGC
AATCCCAGCCTTGGTGAATAACA

>trans_s_6542 X69754|S.pallescens chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase
and promoter region

GTGACATAAGTCCCTCCCTACAACCTCATGAATTAAGAATTCTCGCAACAACAAGGTCTACTCGACATGAATTAG
TAGTTAATGAAACCTTTTTATCCTTAGAACCCCGCATCCGGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATC
CCGAAGGCCAACAGAATAGGATCGA

>trans_s_6543 BT025748|Arabidopsis thaliana At1g05870 mRNA, complete cds

AGAAGAGGATGATGATGAAGAAGCGGAATCAGGTTTTGCTTGAAGGTTTTGTTGAGGATGAGGATGATTGTA
TGAGGACCAAGAGCTTGACGGATGAGGATCTTGATGAACTCAAAGGCTGTGTAGATCTAGGCTTTGGTTTTA
GCTACGATGAGATTCCGGAGCTCTGTAACA

>trans_s_6544 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

GGCCCGACCTGTGGGTCCGCTAACGTCAAGCGAGGAGTTGAGCCTGAACTGGCGAACCGCAGTCACTTTTCGG
AACCATACTTCCTACAGCTAAGACGAGCGGGAAGGCGCAGCGCAACCGAACGTGAGCTGCTATACCGAATCC
CCCGCAGTCCATCGGGGACCGAGTGGTAAA

>trans_s_6545 EU328452|Entada spiralis haplotype S03 trnK gene, partial sequence; and maturase
K (matK) gene, complete cds; chloroplast

TAGTCTTACCTATTTACGAGGTATCTATTATTATTCTTTATTTTTACTGTAATACCTTGTTTTGACTGTATCGCACT
ATGTATCATTTGATAACCCAATAAATCCCATAGAAAGCTCCTCTGGAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCT
CGGCTCTCGCATCGATGAAGAAC

>trans_s_6546 NM_001053126|Oryza sativa Japonica Group Os02g0290500 (Os02g0290500)
mRNA, complete cds

TCGAGGAGTGCGTGGAAGAAGCAATGGATTCTTTGGTTCCTGGTACAAGTGAAGCCACGTTCTTGAAAGTG
TATATGAAATAATGGATCGCCGCCTCGATCAGATTGCTGCTTCATTGTCCTGATGGGGAAAGCTAAAGATCAT
TTTAGTAATAATAATAGTTGCGCCCGG

>trans_s_6547 NM_001057799|Oryza sativa Japonica Group Os03g0748000 (Os03g0748000)
mRNA, complete cds

TTGACAACACCCTGATCCTCATATCGGCCTGTCAAGTCGGAGTAAGAGGCTGAAAGTATGGAGGATATTGGTA
GTGCTGAGGTCCGTACAACCTGGCCATCATTCCCATAGAGGGAACCGGAGAAGCTGCAGGTGAATAAGGACC
ATAGGGTCCATATCCATAACCGTGGTGATA

>trans_s_6548 AB491621|Nephroselmis olivacea gene for 26S rRNA, partial sequence, strain: NIES-483

ATCGAGTGTATCTAGTAGCTGGTTCCTGCCGAAGTTTCCCTCAGGATAGCAGTAACGTTTTAGTTTTATGAGG
TAAAGCGAATGATTAGAGGCCTTGGGGTTGAAACAACCTTAACCTATTCTCAAACCTTACTATACATTCTTCAG
AGGTGGACTTGACCACCATGTTTACA

>trans_s_6549 AF168859|Mayaca aubletii 18S small subunit ribosomal RNA gene, complete sequence

CCCCATTAGAAAAGAAATTTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCACATCTTCCGGAAGC
TGCCGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATCGT
GAATGGTCCGGTCGTCACACTAACCT

>trans_s_6550 AY331170|Theobroma cacao WRKY 10 (tcw10) gene, tcw10-3 allele, partial cds

AAAGTTGAAAGATCCTTAGATGGACAGATCACGGAGATCGTTTACAAAGGCAGCCATAACCATCCCAAGCCCC
AATCCACGAGGAGGTCGTCGCTGTCGTCGGTCGGTCTTCTCAAGCGATAGTGGCTTTGAGCTGAATTATCGG
TAGAGCAATAAGTTGACTGCCATGTTAA

>trans_s_6551 GQ998769|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ribosomal protein L20 (rpl20) gene, complete cds; chloroplast

GTGGTCGCACCGCATCCGTGTCGCGAGCGGAGCGGGCCGCGATATCGGTGGGCAAGTATTTTACGATTAAGA
AGCAACTGCCTCTTGTAGAGATTGTGTATGAATCTACTATAACTGTAGTCTACCTTATTAGATCGAATTACTGC
ATTTATTCGAGCGATCCACAACCTGTCGA

>trans_s_6552 DQ536699|Melothria pendula voucher E. Cotton et al. 1741 (AAU) maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

TCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTAAGAAAAGCGAAACGCCGGCGGTAGAGA
CACATAATTTAAATGTGGGAATTTATCTCTAAAAAAGGAAATATTGAATGACTTGATCGTAAATTATAAGATT
TTGCGATTTCTTCTTTTGAACACT

>trans_s_6553 EU267181|Hordeum vulgare cellulose synthase-like CsIF6 (CsIF6) mRNA, complete cds

GGAAAGTATGATCCTTCAGGCAGAAACGGGATATGATGAGTGGTTGGCTCTCGCTATATATTACGCTACCAAA
CACTACGGGGTTGGCCTGGTTACGACAATTGGGCACTCACATCTTCCAATCTGATCCCTAGTGGGCTGAGA
GCCGTTGCCTATAGAGCCGAGAGCGTAG

>trans_s_6554 AF525938|Casuarina equisetifolia 23S ribosomal RNA and 4.5S ribosomal RNA
genes, complete sequence; chloroplast

GGAGCTCCTCTTTTCCTTGGGGAGAAATAACAACACTTAATCAATGGACAATTTGATCCCAAGAAGAATGCTA
CATCAAAATCAACAGAAAGTACCCTCAAGTAGTCGGTCAAGTAACTGCGAACGCTTGGCTGGGGGAGAACCAG
CTAGCTCTGGGTTTCGAGTGGCATTTCACC

>trans_s_6555 U43507|Ogura radish nad3/rps12 locus, complete cds, and fMet-tRNA

CGTACTTTGGCTATCTTACGTAGAGCTGAATTAGGTTTTTTCGGTGTCTCGTTGCAAGACGCAGGCATACTCC
TTGCTTCTGGGGACATTGATCCAAAGCTCGAGTACGGTCCGTGCGCCGTTTTTCTTCTCTACCATGACGAATCA
ATTGATTGAATGTAGGCATCGCCCTC

>trans_s_6556 AB058643|Luffa cylindrica LcIMS1 mRNA for isomultiflorenol synthase, complete cds

TATGTATAAACTTCATGGCCATTATTACGTTGCTTTGTTTTTCTTCCCTTCACTACCTACAAGTTCTAGTCTTTTT
GTTTGAAGTTTGAAGTTTTCTTTGCGAATCGAAGATCGATCATGTGGAGGCTTAAGGTAGGTGAGAGTGGGA
ATGATCCTTACATCTATTCTGTGAA

>trans_s_6557 EF590945|Lagenaria siceraria voucher USDA PI271353 NADH dehydrogenase
subunit J (ndhJ) gene, partial cds; chloroplast

TAAATATATGTATATGGTTACAATTATCTACGTTCCCAATGTGCTTATGATGTAGCACCAGGCGGACTGTTAGC
TAGTGTGTATCATCTTACGAGAATCGAGTATGGTATAGATCAACCGGAAGAGGTATGCATAAACTGCGGGTA
ATACCTTCGCCCCGAAGCCCCGGAATGAG

>trans_s_6558 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)
gene, partial sequence; chloroplast

CATATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACCTCTGTTTTCACTTCAACTTTAAGGTGTATGAA
GTTTCATATTTTATTCTTTAAGCAGAAGCAGGACGATAGAGATTCCATTTAACTTAAGTTGATCTAGGTCAGAA
GCATACCTACGTCAGGATAACCCCTT

>trans_s_6559 AY450953|Panax ginseng photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II CP43
protein (psbC) genes, complete cds; chloroplast

CCTAAAGGAGCATGGGTCATATATTCCGCGGAACGTCGTTCTTGCCAAGGTTGGATGTCTTTTTTCAGTCTACT
CAAGTCCAAACCTAATCCTGGGGAATCTGGTTCTAACCAAGGAGCACGCAGATCCCAAAAACGCATAGTCTCT
CCCCCAAAATGACTTCTCCAGTCGGA

>trans_s_6560 Novel Gene

CGTATTAATAATATCATGAATAACAATATCGGAGCTATCAAATCGATTCATCGTCGAGAATTGAATAGTATAACA
TAGGAAGATCTTTTATCCATACCGAATTTAAACAAAATGGGACCTTCACGCGAATCAGTTCAAGTCTACCGGTC
TGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACA

>trans_s_6561 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

CATACGCCCTCAGCTATTGGAATTGAGAAAATTCTGTCCCCGGTGTTACAAACATACGATTCATGGGGAGATA
AAGAAATAGATCGAACCGATCGGCTGTGTGTACCCTTTTCCAATCCAAGGAAGATGAAAAATTACATATATT
AGACATATGGGCTCGGGCCCGCGGGGT

>trans_s_6562 FJ858255|Vitis vinifera cultivar Sauvignon Blanc lipoxygenase (LOXA) mRNA,
complete cds

AGAAGTTCAGTGGAAAATTGAAGGAACTAGAAGGGATAATTGATGAAAGGAATGCTGACCGAAATCTAAAG
AACAGACATGGAGCTGGAGTTGCGCCTTATAGACTTTTGAAGCCTGAATCAGGGCCTGGAGTGACAGGACAA
GGAGTTCCTTACAGTATTTCTATTTAGAAC

>trans_s_6563 AY362608|Polypodium rosei ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large
subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

AAACTTGTTTCATACCAGCGGGAGATAACCCCGTGACTATTAAACCAAAATTGGGATTATCCGCTAAGAATTAT
GGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTACGTGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATGATGAAAACGTGAATTTCCCAAC
CATTTATGCGTTGGAGAGTGGCAAAG

>trans_s_6564 AB061795|Bruguiera gymnorhiza bg55 mRNA, complete cds

ACTGAATTCAGAAGTGACTTATGAAGTTCTTGCCATTTTAGAAGCAATATCTGGCCACCGTAAATGCAGCTCTA
GTTTTGTCACATCCGGCGTCCTTTCTTCATTGGCTAAGTACCTCGACTCAGAGATTGAAGACTTGCAAGAATTT
GCCCCATTTTAAAGCGTCCGGGCG

>trans_s_6565 GQ916670|Retama sphaerocarpa 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene,
partial sequence; chloroplast

AGGTTACCGGCTGTATCTCGATCTCAAGGCAGTAGATCATCCACCAGACTTTGGTTCTTGCTCCTTAGAACTC
AAGGACACAGATGTACAACCTAAGTACAGGTACTTCCCTGTTGAAGGTCGTTGAGCTTTTCTGGGAGTATG
GCATGGGTTACTTCAGCGCCGTAGCG

>trans_s_6566 AF525938|Casuarina equisetifolia 23S ribosomal RNA and 4.5S ribosomal RNA
genes, complete sequence; chloroplast

GCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAGACCCACCCGTCGAGCAGGGACGAAGACTAATTCGACAGCTTCTGCCAC
GGGAGTGGAAAATTACCGCTCAACGGATAAAAGTTACTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCAAGAGCTC
ACATCGACGGGAAGAGTTCTTGAGGACT

>trans_s_6567 GQ997908|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 RNA polymerase alpha
subunit protein (rpoA) gene, complete cds; chloroplast

CGCGCTAGCCAAGCCATTCCAACCGGCCGTTTTGTATTGAATTAAAGATCGAGAGGAATCGCGGATATCATAT
ACAAACGCCAAATAATTTTCAAGACGCAAGTTATCCTATGGATGCTATATTCATGCCTGTTGAAATGTTAATC
ATAGTGCGACGCTCATAGTGTAGTTT

>trans_s_6568 CP001576|Micromonas sp. RCC299 chromosome 10, complete sequence

TGCCCCTTTATGATTTAAACAGCCCTTACACCCCGCTCTTTGCCTTGTTGTCTCTGGTGACGCTCCGTTGCGAA
GATCAGGCCGCGGGGACGGTGGCGCGGCCGCTGGGGCAAGTGGCGGGCGTGATTGTTATAAAAGGTATCTT
ATAATTATGAATCAATAGCAATAAGTC

>trans_s_6569 Novel Gene

CGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCGTAAGACACCAAACCAAGTCCCGCACCATCTATCCCAAAGATTTTTGTGTTGC
TGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGCAACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCGA
CTAATTGAGTGCCACGTGCATCTGGTT

>trans_s_6570 XM_001690729|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGTAGCCCGAGGCCGAGCGCTTCCCTCTTGAGTTAGGGGTGGCGTTGCATTCCACAGGGAGAGGTTTTTCAA
ATTGTGGCGCACTCTCAGTTGCGTTGGGCTTAACATTATCACTTCCGGTGAGGGCTTCCATGGCCGCTTTACT
GCGGTTGAAAACGTCAAAAGCGAG

>trans_s_6571 AC239778|Solanum tuberosum, complete sequence

CTTGCTCTCCCTTAGCAGCGGGGAAGGAGTCTATCTATCTGCCTAGCTTTGGTAGATTTCTCCAACGCAATCC
ACAGAAATGAAAGGAATCCCTTCCCTTGGTGGATAAGTCCGACGACGGAGCAGCAGTGCGGAATTGACTTTC
TCGTCTGGTGGATCTGATCTATAGTTA

>trans_s_6572 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTTTCCTCTGGCGAGGGGAGTGGGCCACTAAGTAAACAAAGTGAGGGTGGCTCAGCCGGAGGTAGGGTCCA
GTGGCTGGAAGAGCACCGCACGTGCGTGGTGTCCGGTGCGCCCCGCGGCCCTTGGGGGCCCGGAGGAC
CGAGTGCCTCTCACGCCCCGTCGTACTCATA

>trans_s_6573 AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

TTTGCAAATCATGTTGGTTTATCAGGACCTCGTTTCTGGTGACGAGCTTCTCTCGGATTCGTTTCCATACAAGG
AAATTGAGAATGGAATGATTTGGGAAGTTGAAGGAAAGTGGGTGCTTAAAGGAGCAGTTGATGTGGATATT
GGTGCTACAGAGGTTGACCTCACAACA

>trans_s_6574 Novel Gene

AAAGGTTTTTATTTGCGGAAGAGTAGGGGCAAATAAGCATTTGTTACCAATGGGGAATTCTTCTCATCTAAA
ATTGAAAATAGAGATGATTGGATTTGCACCAATAGAAACCATAAATTTGATACACAATAAAAGGATATGATAA
ATCTTTGTTTATTTATTTTCGGTAGTG

>trans_s_6575 AF389260|Nepenthes sp. Nickrent 3056 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTGAGGAATTTTAACCCGA
TTCCCTTTGAAAGTTGCGCTTGATACTCTGAGAGTAAACCCTTTTTCAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTG
CAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCC

>trans_s_6576 NM_001188029|Oryza sativa Japonica Group Os06g0682300 (Os06g0682300)
mRNA, partial cds

AGAAGCCATAGCCACAGACTCCTAACTGCAAAATATCACAAACAAAGCAACCAGAGGCTTCCAGTGATGGTTA
ATAACGGTTACTACCACGCTTAGATCCATTAGTTTTTGACCTTACGTCTAGGAGTTGTCTTTGCAAATCGATGCC
GTGTTTTTGTATACACGCAGTGGG

>trans_s_6577 AY605498|Nothofagus truncata ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase
large subunit (rbcL) and acetyl-CoA carboxylase beta subunit (accD) genes, complete cds; chloroplast

TGGATCTAGAGGTGTCAGAAAAGTTACCACAGGGATAACTGGCTTGTGGTATTTCTACTAATTCATGTCGAGTA
GACCTTGTTGTTGCGAGAATTCTTAATTCATGAGTTGTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACTAA
AGCAAGTGTGGATTCAAAGCTGGTGT

>trans_s_6578 DQ304690|Karelinia caspia vacuolar Na⁺/H⁺ antiporter Nhx2 mRNA, complete cds

GATATTTGGATGGCTCATTGAAGGTCCCTTGAAATCGGGAGAATACCTCTCTCGTAATGATCTTGCTTAATCTT
GGTGTATGTTTCTGAATCATGTTTCATCGTTTTTCTGGGTGTTTTCTTGCCTGACAGCCGCAGCATCATCATCTC
GCGCGCGTCTCCACCCTCCGCGTT

>trans_s_6579 AB490411|Citrullus lanatus subsp. vulgaris gene for 23S ribosomal RNA, partial
sequence

ATGGACTAGGTAAGTGAAGACGTCTCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGTCACCAACTT
CCTTGACCTTCCGGCACTGGGCAGGCGTCAGCCCCATACATGTTGAGGCATCAGGTGCGGAGACCTGTGTTT
TTGGTAAACAGTCGCCCCGGCCTGGTCA

>trans_s_6580 NM_102773|Arabidopsis thaliana ERD4 (early-responsive to dehydration 4) (ERD4)
mRNA, complete cds

CGACCGTCGGGTCCAGGAGTAGGAGCCCGTTTGCTTGGATTACGGAAGCTCTGTCTTCTCCGAGAAGGATGT
GATCTCTATGTCCGGGGTTGATACTGCTGTTTACTTTGTGTTTTTGCCACTGTGCTGGGGATTTTTGTGTTGTC
TGCACATCCCTCACTGCCTCAAGA

>trans_s_6581 XM_002869840|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata vesicle-associated membrane
family protein, mRNA

AAGAATCATGTGGCTTTCAAATCCAAACGACCGCACCAAAGAGCTGTTACATGCGTCCTCCTGGTGGTATACT
TGCTCCTGATGAAAGTACTATTGCAACCGTATTCAAGTTTGTGGAGCCACTAGATAACAATGACAAGCATGTA
GATCATATCTCTTCTGGCGACAGC

>trans_s_6582 AF297542|Cornus volkensii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGACGACATTCGAAAGCTAAATATTTT
TAATACTGTCCGAGACAAATTCATGATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG
AGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGG

>trans_s_6583 Novel Gene

CGAAGAACGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGACACGGCCCGGACTCCACGGGGGGCAGCAGTGGGG
AATCTTGGACAATGGGCGAAAGCCCGATCCAGCAATATCGCGTGAGTGAAGAAGGGCAATGCCGCTACATTT
CGAGAAAGCAGCTCACGCGCAAGTACTGTT

>trans_s_6584 AY727977|Gordonia lasianthus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AACGGCACTTGCACATGGGTAGTCGATCCTAAGAGTGGGGGGAAACCCAGAGACGGCCGCGACAGCGCG
AACTTCGAAAGGGAATCGGGTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCCTAAGGC
CTCTGCAACCGCCCCCGAGCCCTTCTTT

>trans_s_6585 AY914602|Euphorbia characias aldehyde dehydrogenase family 7 member A1
mRNA, complete cds

GTGTACAAACAAGTAAAAATTGGAGACCCTCTTGAGAAAGGTACCTTACTAGGGCCATTGCACACGTCAGATT
CAAGGAAGAATTTTGAGAAGGGAATTGAGATCATAAAGTCTCAGGGAGGTAAGATTGTATAACCTCCAAGTC
AATAACTTAGCCTCCCTTTGAAACACC

>trans_s_6586 HM104185|Ananas comosus glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase (GAPDH)
mRNA, partial cds

AAGGGTGGTGCAAAGAAAGTTATTATCTCAGCTCCCAGCAAAGACGCTCCCATGTTTGTTGTGGGAGTCAATG
AGAAGGAATACAAACCAGATCTTGATGTTATATCTAATGCTAGCTGCACTACCAACTGTCTTGCTCCACTTGTG
GGAAGTGCCTGTAGCGAGCCCAATG

>trans_s_6587 FJ455446|Nicotiana tabacum NTHK1-interacting protein 2 mRNA, complete cds

GCTCAGATCCTTCTTGAAGCTGGAGTGAAGGTGGATGCACTGGATAAGAATAAGAATACTGCACCTTCATTATG
CAGCTGGTTATGGCAGAAAGGAGTGTGTTGCACTATTGCTTGAGAATGGCGCCGCACTACTCTCCAAAACCT
GGATGGGGGAGAGAAATAGCTACAAC

>trans_s_6588 DQ535800|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon ribulose-1,5-
biphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

ATCGGGGCGGTCTTTTCTGTAGAAGCCGCGGTATTTATTTCACTCAAGATTGGGTTTCTTTACCAGGTGTTCTG
CCAGTGGCTTCCGGTGGTATTCACGTTTGGCATATGCCTGCTCTAACCGAGATTTTGGAGATGATTCTGTACT
ACACGGATGCGGAGGAACTTTGGG

>trans_s_6589 M16058|Cucumber LHCP mRNA encoding chlorophyll a/b-binding protein, partial
cds

TCCAATGCCCCGAAAACCTAAGGAAAGTGAGAGTCTTAGGATTCAGAGAGTGAGAAAGGAACTTGTTTGGTT
AAACCATTGATGGTGGTGTATATTTGCGGTTTGAACAATTGAGTGTTGATTGAATGGATTTCATTCTGATTT
TTCAGTAAAAACAAGAGATGATCTAA

>trans_s_6590 NM_001067174|Oryza sativa Japonica Group Os07g0679300 (Os07g0679300)
mRNA, complete cds

AAATGGGTGGCTCGAACGCCTCAGATGGGATGGAATAGCTGGAATTTTTTCGCCTGTGATATTAATGATACT
CTTATTCAGGAACTGCGGATGCACTCGTTTCTACGGGTTTGGCTGAGTTAGGTTATGTGTATGTCAACATAG
ATGATTGCTGGAACACTCAAAAGAGT

>trans_s_6591 AY173415|Petroselinum crispum mitogen-activated protein kinase 3b (MPK3b)
mRNA, complete cds

AAACCCCAACAGAAGAGCATTAGAGTATTTCTTTATCAGATTCTCAGAGGACTGAAATACATACATTGCGC
AAATGTCATTCATCGAGACTTGAAACCGAGCAATCTATTGCTTAATGCAAACGTGTGATCTTATTTATACGCTGA
AACCAGAACGAGCACCAACTTCACT

>trans_s_6592 tpg|BK001006.1|TPA_exp: Arabidopsis thaliana PDR7 ABC transporter (At1g15210)
gene, complete cds

ACCTAGGAGTCTTATCATAGGCTTTCGACTTCTTAATATAGTATTTGACTGGAATTCAGAGGTCCGACTATCC
ACTTTGTCCAAGGAAGTTTCAGTTCCATAAATCAGTCCAAAAACAAAGAAAGCACTACGCCTCCGAGATATAT
AATAGGCTAGATCTGCGAGTAAGAC

>trans_s_6593 AB377520|Zinnia elegans Z632 mRNA for cellulose synthase Z632, complete cds

CGAGTGGGGTAAAGAGGTTGGGTGGATTTATGGGTCTGTTACAGAGGATATTTAACAGGTTTCAAGATGCA
TTGCCATGGATGGAGATCAGTTTATTGCATTCCTAAAAGGGCAGCATTCAAGGGTTCAGCTCCTATTAAGTTGT
CTGATCGTCTACACCAAGTTCTTCGT

>trans_s_6594 NM_103237|Arabidopsis thaliana diene lactone hydrolase family protein
(AT1G35420) mRNA, complete cds

AAAATGGAGAAGATTAAGAGGATTGCAGAAGACATAGGAACAGTAACAAAATGGTTGACCGACGAGTTTCA
GCGGCAGGCCTCTCAAGGAAGCTTGGGATCATAGGATTTGGTCATGGAGGAGGCCGAGTAATAGATGTTCTA
GCTCGAGACAAGGGTGCCTGTTTCTTGC

>trans_s_6595 AB490003|Citrus lanatus subsp. vulgaris CitAuR mRNA for auxin-repressed
protein, complete cds

CGAAGAAGGATAAAGTTTGGAGAAGCGTCTTCAACCCTGGTAGAACTTTGCTACCAAGACTATTGGTGCTGA
AGTCTTCGACAAGCCTCAACCAATTCTCCAAGTGTACGACTGGCTCTACAGCGGTGACACCAAGAGCGAG
CACCACACCTGTGCAACATGTCATGT

>trans_s_6596 NM_001069202|Oryza sativa Japonica Group Os09g0248200 (Os09g0248200)
mRNA, complete cds

GGATACTTTTGAATTGCATCTGATTTCAATGATGTAGAGTTATCCAGGCTTGCGCAATGGTCTCCCGTCGCC
GTCAAGCAGCTGATTTATGTCGATCTCTAGGCTTATCAGACAAAATGCCAGGTGTCATCGAAGTATTGGTTAA
CAGTGTGACAACCTACAGCACAGTG

>trans_s_6597 FM992581|Spirogyra sp. M1843 chloroplast partial 23S rRNA gene, strain M 1843

GGAACACGTGAAATCCGTCGGAATCCGGGAGGACCATCTCCAAGGCTAAATACTCCCTAGTGACCGATAGT
GAACCAGTACCGTGAGGGAAAGGTGAAAAGCACCCCGGAAGGGGAGTGAAATAGAACCTGAAACCGTGTGC
CTACGGACGACTAGGTAAAAAATGAA

>trans_s_6598 FJ882980|Fragaria x ananassa blue light photoreceptor mRNA, partial cds

CGTCGTTTATTTATGGGGATTATGAGGAAAAGTCAATCAAATGTTGAAGAAAGCTTTGGCATTGAAGAAGGTT
CGGATGACGATAATGAGTCCGATGACGATGTTAGACCCGATAGTGTGACGACAAAGTAAGGCAGAGGGAA
ATGAGAGGAAACGCCCTAAAAGCTAAGC

>trans_s_6599 DQ306808|Hevea brasiliensis isolate SSH79 mRNA sequence

CAGAGAGTATGTAATTGGGCGACGAATTTGGGAAGCAGGACGATCTTATTACTGTGTCACTAAGAGTGATACC
GTGTTCTCTGTACCAAGACGCAACAAACCAAGACGGGTGATTTGTACTATTCGAGCTGGTGCATTCGTGCA
GTTGAATCAGGTCCTCAAAGCAAGTGT

>trans_s_6600 GQ177836|Arabidopsis thaliana ecotype An-1 SPY gene, complete sequence

GCCTGCAGAACCTGCACCTCTCAAAGTGAAGATGGCAGCAAAACCTAACATTAAACGAACTAAGGAAGAACCC
AAACCAAGTGCCATCTGATACTCTTCTGACAGAAAGTTGATAAGGAAGTTAAACACAAAGCTGGAAAGTCCG
TACAGCCCTTGGAGCAAGAGGTATTT

>trans_s_6601 AY968404|Coccinia sessilifolia 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACTCAAGAGAAGCGTCTCAGCGGCGGACCGGGCACAAGTCCCCTGGAAGGGGGCGCCGAGAGGGTGAG
AGCCCCGTTGCGCTCGGACCCTGTCGCACCGTGTGCGCTCAGACCCTGTCGCACCACGAGGCGCTGTCAACG
AGTCGGGTTGTTGGGAATGCAGCCCCAC

>trans_s_6602 AF170087|Cucurbita pepo silverleaf whitefly-induced protein 3 (SLW3) mRNA,
complete cds

TTTCAGTGGTTTTCAATTTTCATCATCTTTGAATTTAGGCAATCTCTTCTTCAAGATCTCTCATGCTGGCTGGAT
AATCTCCATACACCAAAGGATGCAAAAACCAACCAAGAGAAAAATCAAGAGCTCGAGATGTAGCCTTTCTGTC
TTCCTCACTATTTGAATATGGGA

>trans_s_6603 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

AAAAAAGACATATTTCCGGAATATGAGTGTGTGACTTGTTAGAATTGATCCTATGGATACGACAGAGAAGAA
GTCGGTCACTTTGATGAAGATGATTTTATCTCGTTGGATATTCACTTAGGCTAGTATCTGGAGCACAGACGC
GCGTCCCGCTCGGAACCCCGCGGCTCC

>trans_s_6604 AB601118|Vitis hybrid cultivar Tam-BT mRNA for BTB and TAZ domain protein,
complete cds

GCACCGATGAAACCGAGGCCAGTATGGTGGAAATGCGCAGGTATACGAAGTCCAGCGGAGGTAACGATATGA
ATGTCAGGCTCCGGCAGCTCCTGGAAATCTGGTTTGCGATCCTTGACTGCGGAGGCTAGGAAATGGGGGTGG
ATTCGGAAGGAAGATGAAGAGCTTCCA

>trans_s_6605 HM150716|Solanum tuberosum CMPG1b gene, complete cds

GTTTGATCTCTAAGTGCGCGTTCAACATCTCAGTGACCTTGTCTTTCATGTCACCACCACAACCAACCTGCAAG
AGAACCAATATCTTCTGGAAAGCACCCAGTTGGGCTGCTTCAACTCTCACCTCATCTCGCCCTTCTCACCCTC
TTGCAGAGCTTCAACAATATTG

>trans_s_6606 AY109503|Zea mays CL1031_1 mRNA sequence

AAGCCTGGTCACTTTCAAGGCCATACATATGACATAGTGCCGATTTCAAGGTATATGGAGAATATGTAAGTG
GGTCAATAAGTGATGAAGAGAGAAAGAATGTTGTCCGCAACTCTGCCCGGGGGCTGGGGCTTGTGGTGGT
ATGTATACAGCTAATACAATAATGCTC

>trans_s_6607 AY104183|Zea mays PCO088366 mRNA sequence

TGGTCAACCTTCAGATATTTGTAGATCTAACGAAAGAGCAGTTAGTGTGGGTTCCAACCTCTGTAAAAACACCC
AAGTCTCCATGGATGTCTTTCTCCATGTTGTTTGCTGCCATCTCTAAGGGCGTCGAACAGTCAACTCAGAACTG
GGTGTCACCTGGGAGAGGCACTG

>trans_s_6608 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGAAAGGTCCGAGGGAATGGTTGGG
ACAACAAACATCCATCTCGTTTGTATTTGGATACCTGTATAACCATCGAAGACTGTTGAAGTACTAATTCCT
GGAACGGATCTTACAACCTGGTGTG

>trans_s_6609 GU799538|Melothria candolleana voucher J. Schunke-Vigo 5822 (MO) ribulose-1,5-
bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

TTTTATATATGATAACGAAAGCCTATGGGCTCTCCAGACGTAGAGCACGTAGAGCCTTGAATCCAAATACATT
ACCCACAATGGAAGTAAACATGTTAGTAACAGAACCTTCTTCAAAAAGGTCTAGGGGATAAGCTACATAAGCA
ATATATTGATTTCTTCTCCAGCAA

>trans_s_6610 AF180758|Vitis riparia 60S ribosomal protein L10 (QM) mRNA, complete cds

CGGGCTGATATAGTGGCTTACAAGGCAGAAAACAAAATTCTTCTGATGGTGTTAATGCCAAGCTTCTTGGAT
GCCATGGGCCTCTTGCAAACCGTCAGCCTGGAAGAGCTTTTCTACCTCAAACCGCCTAAGCTAAGCTAGTTAAT
TTTTGGTTTTTCGAAAAATAACAAG

>trans_s_6611 GQ475076|Cucumis sativus GA-like protein mRNA, partial cds

TTGTGTTTGTATAAAATAAAAAGACTAGAAAACCCCATTTAGGAACTCAGCTTCACAGAATTCTCCACCAAGA
TCATCGCAAGCTCTCTCTCGGAAAACAGTCTTTGAATCGGCGGCATAATCAAGATACTCTCTATCAATCTCCTCC
AAATTTGCAACGGCGGGGTTTT

>trans_s_6612 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGAAGAGTTATCTTTTCTGTTTAACAGCCTGCCCACCCTGTCCCCAAATCAGCCGGAGGTAGGGTCCAGTGG
CTGGAAGAGCACCGCACGTCGCGTGGTGTCCGGTGCGCCCCCGCGGCCCTGGGGGCCCCGGAGGACCGAG
TGCCTCTCACGCCCCGGTCGTACTCATA

>trans_s_6613 AY727669|Arabidopsis thaliana ecotype 9481B SHATTERPROOF2 (SHP2) gene,
complete cds

ATGAGACGACTTACTATGCATCACCCACAGCTATCTATTTAGTAGACTAGAATCTAACATGTGGCTTACTCCAA
ACATAAGCGATTATACATACGTAAACATGATATCTGAGGAAATCAATTAGAAGTATTTCAAATAGAAAACGA
GCAAGAGATCGGGCGACCCCGTTT

>trans_s_6614 DQ768221|Fragaria x ananassa inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

TGGGGAGAGGAAAGGTTCTTTTTTTAGGGTACCCCCGGAACAGATCCAGTGGAGACGGGGTGGGGCCTG
TAGCTCAGAGGATTAGAGCACGTGGCTACGAACCACGGTGTGCGGGGTTTCAATCCCTCCTCGCCCACCATG
AGCTCAACGAGATGTCTAATCTCGTGTG

>trans_s_6615 XM_001691759|Chlamydomonas reinhardtii zygote-specific protein EYZ2 (CHLREDRAFT_181623) mRNA, partial cds

TCCCTGCGGATGCTAACGCAAAGCAATGACGAATCAATTGCGACCGCCACTACCAACCCAGGTACACAACCTTG
AACTGTGTTGCCTCATCTGTGCCCTATGCTTCAGATCCAAGCAATGACGAAGACCGGTATCAATAACAGCAA
CCAACTTGACACACCAGCAATATTA

>trans_s_6616 DQ158187|Nicotiana repanda trypsin proteinase inhibitor precursor (PI) mRNA, complete cds

CATTCAATCCGAGAAGAATGTGAAAACATGCAACATGAGCCATGAAGTACCATTTTATAATCTGGAACACAAT
TCATCACACCAATGCAGGAAGGAATATAAGTGGAATGGGAGACCACCGAAGCTGGGCCAAGTGATAGGTTAT
TGTTGGTTGGCTTTGTTTATTTGGGG

>trans_s_6617 AJ504731|Nicotiana tabacum mRNA for bromodomain-containing RNA-binding protein 1 (brp1 gene)

GTCTTAGAAGATTTCTTGTTTATTTTAGGTCCAGAACCAATGTTCCCAGATTCAATACGATTCTTGATTCTGCTA
ACTTGTTCAAGTTCTCCAGTAAGCGTTTCCTTAGCTCAAACAAATCCCTCCCAGAACACGAAGTTACATTGAA
GCTCACATATTGGCTGTACTCG

>trans_s_6618 FJ437211|Corchorus olitorius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAATAATATAAAGAAGCAGACGCGGGCCTGGCTCTTGCCCCGACGGCCGGGTATAGGTCGCGCGCGGTGAT
ATTGCTTGCCCTAAAATCGACCAGCGATTACTTGTGACCACCGTGTGTCTCTTAGCGGATTCGACTTCCATG
ACCACCGTCCTGCTGTCTTAATCGA

>trans_s_6619 FJ358540|Gossypium hirsutum bHLH domain protein (bHLH1) mRNA, complete cds

AAACCAGCAAACGGAAGAGAAGAGCCATTGAATCACGTAGAAGCAGAGAGACAACGGCGAGAGAAATTAAT
CCAGAAATTCTACGCTCTACGAGCTGTAGTTCCAAACGTATCTAAAATGGACAAAGCCTCACTACTCGGTGAC
GCCTGGGATGCACGCCCATCTAGTCCC

>trans_s_6620 Novel Gene

AATTATTATAGCGGGTTGGTCTAGTAATTCGAAATATGCCTTTCTAGGAGCATTACGATCTGCAGCTCAAATGG
TCTCTTATGAAGTCTCTATTGGTCTGATTCTTATTACTGTACTAATATGTGTAGGTTCTGTAGCCCAGACAGAG
CCACTGCAATATGGGGATGAGC

>trans_s_6621 AF479231|Dipsacus sativus 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCAACCATTTTCGAACACCTCATTGCATTTTCAGGGCCTTCGAGTCTAGCATTT
CTGTATGATTTCTACTGTCCCTTCTGGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCG
CAATGCTTTGTTTTAATTAAACA

>trans_s_6622 AY103984|Zea mays PCO074888 mRNA sequence

GAAGTGCCCTACAAGGAAGGACAATCGATTGGGGTAATAGCAGATGGAGAGGACAAGAATGGGAAGCCTCA
CAAGTTGAGATTATACTCCATTGCAAGCAGTGCTCTTGGTGACTTTGGTGACTCCAAAAGTCTTCTCTATGTG
TGAAGAGTCTGACAGTCACTGGTGAA

>trans_s_6623 AJ508977|Euphorbia parvicyathophora ITS1, 5.8S rRNA gene and ITS2, specimen voucher Rauh 74690 (HEID)

TCGGCCCACATGATATTAAATTTATTTTCTAGGGGGAGGGCCCATCCCAATAGCCCATTATTGGGGCCCCTAG
ATACTATTTCCATACCATGTCGTCATCCGATACTTGGTGTGAATTGCAGGATCCCGCGAACCACCGAGTCTTTG
AACGCAAGTTGCGCCCGGAGCCT

>trans_s_6624 M72889|Solanum tuberosum U2 small nuclear RNA, complete CDS

ACCTTCTAAGAGGGGTGCGCCAGGCCCAAGCTGTAGTGCAACGCATGGGCGACGCTCGAGGGCCCTGGCAG
CAAGCTACCATGGTGGATCCTCCCCCTGAAAAACCGAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCT
GCATACATCACTGCACTTCCACTTGAC

>trans_s_6625 U76611|Solanum tuberosum ci21B gene, complete cds

CGATAACTTTTTTCTACTTCTCCTTAATTTCTTCTTTCGCCTACATCTTTTATGTCTATCTATGTTGATTATCTCT
ATAGTGCCAACTAAGTACGTAGTTTTTTTTTAATTCTTTTCTATTATTTTAATAGAATTTATTAAATAATCTTATA
AAAGAGGGCGAGATAAA

>trans_s_6626 FJ709752|Oryza rufipogon cultivar W1087 Os02g18510-like protein gene, partial cds

AATTGGGCAGAGCCACGTAGCAGTGCTGAATCGGATTCAACCAAACCTCGCCGCTAAACCGCCGAGTAAACC
GGCGAGGAGATTACGTCATGGATGGCTTCAAGGACTCAAACCCTTCCCCACAACCCTCATCCCCACTCGCTCA
AAAAACCATCTCGGCGATCTCAGAT

>trans_s_6627 DQ781308|Pachysandra terminalis chloroplast carbonic anhydrase mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CCTATTATCACCCCCACCTGGAGAGAAGATATGGGGAATGGTTCATATGAGGAAGCCATTGAAGCTTTGGAG
AAGCTCCTCAGAGAGAAGGGAGATCTGAAGGCAACAGCAACATCAAAAGTGGAACAAATAACAGCAGAGCC
GGGGGTCACGAGCAAGAGGGGATTGATT

>trans_s_6628 HM122456|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH2) mRNA, complete cds

TCTGCCGCTGGACCGGACGATGCGGTGGATGAGGAGGTTACGGATACAGAGTGGTTCCTTTTGGTTTCGATG
ACTCAGTCGTTTGTTAATGGTGTGGGTACCGAGTCAGGCGTTTTACCACTCGACCGCGATTGGGTCTCTGG
TGCCGATCGGCTGTCAATACTCAA

>trans_s_6629 GQ998673|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 cytochrome f protein (petA) gene, complete cds; chloroplast

CCGGACCTGCGACTAAGAAAGATGTTCACTTCTTAAATATCCCATATACGTAGGCGGGAACAGGGGAAGG
GGTCAGATTTATCCCGACGGGAGTAAGAGTAATAATAATGTTTATAATGCTACAGCAGCAGGGATAGTAAGC
AAATATTATGCTTTTCTTTTCTCCT

>trans_s_6630 XM_002882531|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alphavirus core protein family, mRNA

CATTCAATCCGAGAAGAATGTGAAAACATGCAACATGAGCCATGAAGTACCATTTTATAATCTGGAAGTGTTT
TCATCACACCAATGCAGGAAGGAATATAAGTGGAATGGGAGACCACCGAAGCTGGGCTGGGCCAAGTGATA
GGTTATTGTTGGTTGGCTTTGTTTATT

>trans_s_6631 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

GAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCACTCGTCTGTAGAGAAGCCTTCGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAG
CACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGGGATGGAGCGACTCTCAAACCTCTAAGTTCTCTT
CCAGTGGGCCTCTACTCGGCAAATA

>trans_s_6632 AB267400|Coptis japonica var. dissecta hppd mRNA for hydroxyphenylpyruvate dioxygenase, complete cds

AGCTCCGAAAACCGGCTTCGCACTCCGGCCTCTGCTCATCCGTCAGCACATCACCCGCCCTGCTCTTCAAGTTC
TTGTAATATGTTGGCGGCGGCGACGGCATGAACTCAAATCCACCGACGCTACTTCGTCTCCTCATCTCCCTCAA
GGTTCTGAAAATATCCTCACTCA

>trans_s_6633 XM_001700857|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AAAGGCCGGAGCTCTCTAACAGACTCTCTAGTTCGGAATTTTTAGACACCCATTTGGGTAACTGTGCAATCAT
GCATCCCGATGATCAACAGCAGCAGCCGTTGATAGAGGAGGAAGAAGAAGAACTGCTTACGACTTGACGG
AGAAGGTTGTGGTAATTGGGATTGAT

>trans_s_6634 NM_001074199|Oryza sativa Japonica Group Os11g0266800 (Os11g0266800) mRNA, complete cds

TCTCAGTCTCATCTTCTCCGCCCTTCATTTCCACCGAACGCCTTATCAGTATCAAGGCTGTGGATATCATGGCT
AGAGTTCTGGTTCAGTCGACAAATATTCCTGGTTTGGTCGGTGGGAGAAAGAATGGCCTTACATCTAGGGGG
TCAGCAAGTGTAACCGGGCCAC

>trans_s_6635 GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

ACAAGACCGTGCCGACCTTGACCCCTGTTATTTGAGATCATATCTAGTATTCAGAGTTTGCCAAAAGGCTAAT
CTGCAACACTAAACGACGACAATCTAGCACGAGCAATGGGGCTATCACCGTCATGGAGATAATAAGAGTAGC
CCGGGGTGCATCGTCATAGAACC

>trans_s_6636 X14411|Tomato U3 small nuclear RNA gene

TCACCAGGTTACCGGCTGTATCTCGATCTCAAGGCAGTAGATCATCCACCAGACTTTGGTTCTTGTCTCCTTAG
AACTCAAGGACACAGATGTACAACCTATAGAACAGATCCTGTTCAAGTAAGGTCGTTTTGTTTTCTGGGAG
TATGGCATGGGTTACTTCAGCG

>trans_s_6637 AB490001|Citrus lanatus subsp. vulgaris CitSIB mRNA for sigma factor binding protein 1, complete cds

TCTAGGAACGACGCCGATGCCACGATTGTCCATTCCCATCACTAGCACCCGATGCCATCTCCATGAATCTCTC
GGCATCCGAGTCCTGACCGGTGAGTTTCTGGACAAGAGATCGAACTTCGAGGCGCTGGTTTTACCTTCATC
GGACTCGAAATGTACACTACTTT

>trans_s_6638 AY251296|*Stellaria longipes* 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast gene for chloroplast product

GCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAGACCCACCCGTCGAGCAGGGACGAAGACTAATTCCGACAGCTTAGTAACA
TTTCTGTTCTTTAATGGCGAGTTGCCTATTTTCAATGAGATCCCTATTGTCCGACTAGAAGGGGGAGAGCTCA
CATCTGGTCATCAGTATACGAACA

>trans_s_6639 AF393610|*Spirogyra maxima* large subunit ribosomal RNA (rrl) gene, partial sequence; chloroplast gene for chloroplast product

GTTGGGCTGTTCGCCCATTAAAGCGGTACGTGAGCTGGGTTTCAGAACGTCGTGAGACAGTTCGGTCCATATCC
GTGTGTTTATGGGGAAGTTTGAGAGGAGCTGTCCTTAGTACGAGAGGACCGGGATGGACACACCGCTGGTGT
ACCAGTTGTTCCGCCAGGAGCACAA

>trans_s_6640 GU168590|*Dasypyrum breviaristatum* tRNA-Met gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAAGATCCTGGCTCAGAAGGAAGGCTAGCTATATGCTTCAGACATGCAAGCAAGTCGAAGGTTGTTTAATCA
AAACCTGGGCCATAGGCTTGATCTTTCTGGGAGTCTGAATGGCTTACCAGAGAAAGCTTTTTTTCTCGAGAG
AGAGACTTCTTTTAGGGGCGCCCG

>trans_s_6641 GQ998087|*Cornus florida* voucher FLAS:M.J. Moore 328 NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

TAGCGGGATAGCTTCGACCTTGTCAACTGATAGTGAGAAAACAAAATCTGGATAAATACCAATACCTATGACA
GGTATAAGGATAGAGATCGCAACAACTCTCGTGGTCCCGAATCAAAAAATAAGAATTTTAGCATTAA
AAAGCTTGATCCATAGAACATCT

>trans_s_6642 XM_002305878|*Populus trichocarpa* GRAS family transcription factor (GRAS48), mRNA

AGAGTCTGGAGTCGGAGAAGAAGATGATGAACCACCGGCTTCAGGAGTTGGAGAAAGAGCTTCTTGAGGAT
AACGATGATGACGATGGGAGTGACGCTGTTTCTGTGATTACGAGCTCGAATAGCGCATGGTGCGAGACGATT
TATAATCTGATCAGTCCGAATCCATAG

>trans_s_6643 J03825|*Bean (P.vulgaris)* NADP-dependent malic enzyme mRNA, complete cds

GGGTAAAATCAAATGGGCTGCCGCTCGCAAAAATGGCACGACCCTGACTCCATTAGCATAGGAGTCAGCAG
TACATTCAGATTGGGAAGTAGGATTTGAAAGAGAGAGGATGATAGGTTGCTCATTGATTGAAGCCATAGTCT
CCACAACCTCTTTAGTGAACGTTCTT

>trans_s_6644 X05512|*Spinacia oleracea* 16 kDa protein of the photosynthetic oxygen- evolving protein (OEC)

AGGGTTGGTAGTGGAAGAAATGGCACAAGCTATGGCATCAATGGCAGGACTCTGTGGTTCCTCTCAGGCTGT
ATTGGAAGGTAGCCTTCAAATTAGTGGCTCAACCCGCTTGAGTGTGGCTAGCAGCATCAGACCTTCCGTCCCC
CGGGAGTTTGGTCGTCGAAAGAGTG

>trans_s_6645 DQ297407|Hordeum vulgare subsp. vulgare FT-like protein (FT2) gene, complete cds

AGCCGTCGGCCACAAAGTGACTAAAAATGCCTATATTTTGTATCTCAGAGGGGAGGGGGGCACTTGAGTTGC
CCAGCAACCAAGCACCTACCCAGAAATGCGAGACGGCGTGTGAACTCCCATAGTGTGACCGATCCGCGCG
GGTGGATCCCTCACCGTCAGGCTTTC

>trans_s_6646 XM_002876659|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PWWP domain-containing protein,
mRNA

ACATCTTCCATTAGTGAAACGAGCAAGAGTTCGGATGAGTGAAGTATCATCTTCAGAAGACTGTAAAAGACAT
TCAGATACAGAAGAACAGAATCAAAAGAAAGCAGTACCTTTCAATCTTCTGGAAAAGTCAGAGTGGCGGAC
CCAGAGTAGTCGTTGCTGCGCAGCG

>trans_s_6647 U42082|Heliconia indica 18S small subunit nuclear ribosomal RNA gene

CCCCATTAGAAAAGAAATTTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGAGGAATTCCT
AGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATC
GTGAATGGTCCGGTCTTCACATCG

>trans_s_6648 GQ998490|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 RNA polymerase
beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

AACGCCTCAGATGTCGAAAGAATCATCGTATGCCCCGGAAGATAGATTATTACGAGCCATACTTGGCATTTCAG
GTATCCACTTCAAAGAAACCTGTCTAAACTACCTATCGGCGGTAGGGGTCGAGTTATTGATGTGAGATGGA
TCCAGACCCTCTAAAGTCGAAAA

>trans_s_6649 EF010876|Harpanthus flotovianus NADH dehydrogenase subunit 7 (nad7) gene,
exon 1 and partial cds

AGTTAAACGAAGAGCATAGAGACGAATTAGAAGAGATGTTAACCGGCAACCGTATCTGGAAACAACGATTAG
TGGATATTGGTACTGTCACTGCACAGCAAGCAAAGGATTGGGGATTCAGTGGTGTAAATGTTAAGAGGTTTCAG
GGGTACATCACAGCCACTAGTGAGCA

>trans_s_6650 NM_180137|Arabidopsis thaliana SPL1 (SQUAMOSA PROMOTER BINDING PROTEIN-
LIKE 1); DNA binding / transcription factor (SPL1) mRNA, complete cds

ACACCAGCTATATCTTCTATTAACCAAGCACTTCAAACAGCCCTCCCGCATATTCTGAAATCAGGGACAGTAC
AGTTGGGCAGTGCAAGATGATGAACTTCGATCTGAACGATGCTTATGTTGACTCAGACGATGGCATGGAAGA
TATTGAAAGACAAACTCCAGT

>trans_s_6651 AY162887|Thalictrum thalictroides AP3-2a mRNA, partial cds

CAGAGTTTAACCAAAAATGTAACAGAAAAGCCAACTTGACACCAAACAAAGAAGAGCGCAAGCATTAAAAAT
TCTGTCTTTATTCTCGGGAGACGTTAATAAAACACGAGAATGGCTAGCTGATGTATTAGTAAAATTTCCAGCAT
CAGAAGCCACTCTACGCTCCCTAA

>trans_s_6652 AM489692|Lolium perenne inv gene for neutral/alkaline invertase

ACTTGGGGCATGGACCGATGCGGATTGAGTGCCGTTAAGTGCCCAATGGTAACGATGAGCAATCCCCCG
TCATAGCCTTTTCTTATCTCCACCTCCACCTTACCTTCTCTTCGTTCAATCTATACATCTAATCTCACACACATC
ACTGTTTGTAAAGGTTTTTTA

>trans_s_6653 Novel Gene

CTAGACCTAGAGTAGTGTGAAGTTCCATCTATCAATGTCTATTCTGGGAGTGAGGCTGTGCGCATCTGGAGGT
CCCTGCCCTGAGCAATAACCAATTCTTGTTTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTTAAAGAGGGAAGGTT
TTCCCTTGGGTGGCCTCGGCATC

>trans_s_6654 NM_101442|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT1G15740)
mRNA, complete cds

TCGACGAGGGAAATGCCCTTCTTATGGACTTATGCATCCGACGAATATGCAAGGATATAGATCAATATGAC
AGTTTCAGTATGCTTCCAAGGGATATTAGTCAGCTGATCCTCAATGAATCGGTGTATTCTCAGCTTCTAGGCGG
CGCCCTGGCGTGGATCCCCTATA

>trans_s_6655 AY231146|Ceratopteris richardii alpha-tubulin (TUA1) mRNA, complete cds

CAAGCTTGGATTACTGTTTATCCTTCACCGCAGGTGTCCACATCTGTAGTTGAGCCTTATAACAGTGTCTTTC
AACCCATTGCTTTTGGAGCACACCGATGTTGCAGTGCTACTTGATAACGAAGCCATTTATGATATCTGTAGGC
GTTCCCTCGACATTGATCGAC

>trans_s_6656 XM_002880682|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alpha-vacuolar processing enzyme
(ALPHA-VPE), mRNA

AATCCCGTGTGAATCAGCGAAGGTTGTTGACAGTGGCCCTAATGATCATATTTTCATATACTACAGTGATCATG
GTGGTCCTGGTGTGCTTGGGATGCCTACCTATCCTTATATTACGCTGACGATCTTAATGAAGTTCTAAAGAAG
AAGCACATCAGACCTCTTCGGG

>trans_s_6657 Novel Gene

AAACACGTTTACTCTTTTTTGGGTGATGTAGTGGGATCGTTCGGATTGTTACAACCTCTAGCAGATGGTTTGA
AATTGATGATAAAAGAACCTCTTTCACCAAGTAGTGCTAATTTCTCCTTTTAGAATGGCTCCAGTGGCTACC
GGGCGTGGCCTGAGTTGATAG

>trans_s_6658 NM_001187443|Oryza sativa Japonica Group Os05g0345500 (Os05g0345500)
mRNA, complete cds

CCATTGTACTACAGTATTTCCCTCCGGGCTTCCACTAAACGTACAGAGGCTCAAACAATTACAATGTACTGGCG
AGTTCAGTGATGTGTCCATCTATACAAGGTCATGGGTTTGTGCCCACGTGCACAAAATCATTCTTAGCTTA
TGGAGCATGCCGCCGATTGT

>trans_s_6659 AY179554|Prunus persica cultivar Wonkyo Da18 ('Yumyeong' X 'Tsiyomaru') 18S
ribosomal RNA gene, partial sequence

CTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGATCACCCCTCTCTCGGCGGCTTGGATCGGAGTAAC
TACTCTGAGAAGACATGGATTTCAGAAGAGGGAGCTTTTTATCCTCATTGTAAAAATACGAATGCCCCGACT
GTCCCTGTTAATCATTACTCCGAT

>trans_s_6660 AF292539|Zea mays cultivar landrace Araguito granule-bound starch synthase
(waxy) gene, partial cds

TCTTCACAGTGACCTGAGCTAGTTGCTAGGTCTCCGTCTGCCACTAACTCCTGCATAGATGCATGCCTATGTT
GGAGATTACATGCTGAGAATTTTCAGAATTTAATCCACCATTAGACCTTGACTAGCAGACATCCCCAACATA
CTTTCCCTGGAAATCCTGT

>trans_s_6661 EF067844|Hordeum vulgare vrs1 locus, complete sequence; and Hox1 gene,
complete cds

TCCGGACGCGTAGTTTTGATATTCTTTCTTCTTTCTTAATGGAAGACAACCTCTTCCGGCGTAGTGGGA
CCTTGTTCAATTGATTCCATTGACTTTGATTCCGTCGGATTGCTCGCCTTCTACGGACTCTCAATACGTGATTTT
CTCCATAAACGCGGAGCA

>trans_s_6662 Novel Gene

GTGGCCAGATCTTCCAACCTTTTCACAACTCAAATTCTTTGACCCTTGACCTCGTATGAAAGGTCAAGCGGCTT
GCTGGTTTTTCCATCATCCAATCCACAACAAATCGAATGAAACCTGGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTT
CCCCTCTTCGGCCTTCAAAGT

>trans_s_6663 XM_002889593|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAGACGGTTTCTCAGATGAAGAATTCTCCAAACAGATTCAGGAGTTGGCGCTTAGGTTTCAATTTTCCTCTGAT
GAGAACACCAGCCATTTCAACGCCGAGAGTTCGGATTCCGTTTCCAATTCCAATGTTGATCGTGAATTTAATAC
TGTTGAGTTTTCTTACAAAA

>trans_s_6664 AB491632|Picocystis salinarum gene for 26S rRNA, partial sequence, strain:
CCMP1897

CCGCCAGCGTTCATCCTGAGCCAGGATCGAACTCTCCATGAGATTCATAGTTGCATTACTTATAGCTTCCTTACT
ATCGCAGGTATCCAATCACCACAAGCCAGTTATCCCTGTGGTAACTTTTCTGACACCTTAGCTTCAAATCCGA
AGGTCTAAAGGATCGATAG

>trans_s_6665 AB183015|Solanum lycopersicum LeSDH mRNA for sorbitol related enzyme,
complete cds

TTTGGAAGACAATGTCAACAGCCTTAAAAGCCAGCCGATCTGGTGGCAAAGTTTGTCTGATTGGAATGGGTC
ACAATGAGATGACTGTTCCGCTAACTCCAGCTGCAGCAAGGGAAGTTGACATAATTGGCGTGTTCGGTACAA
AAACACATGGCCTGTGTGCAACA

>trans_s_6666 AJ271115|Chara globularis partial 25S rRNA gene

TTAGTTTTACCCTACTGATGATGTGTTGTTGCCATGGTAATCCTGCTCAGTACGAGAGGAACCGCAGGTTTCAG
ACATTTGGTGATGTGCTTGGCTGAGGAGCCAATGGGGCGAAGCTACCATCTGTGGGATTATGACTGAACGC
CTCTAAGTCGTAGGCCCAATGAAT

>trans_s_6667 XM_002888998|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-1 chain (TUB1), mRNA

GAGATTCCCGGGACAACCTCAACTCCGATCTCAGAAAGCTAGCCGTTAATCTCATTCCATTCCCTCGTCTCCACTT
TTTCATGGTGGGTTTTGCTCCTCTCACATCTCGTGGTCCCAGCAACGTGAGATCTCAGTCACCTTTAGATCCGT
TTGGTTTTACCAAAGCATT

>trans_s_6668 XM_002871554|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutaredoxin family protein, mRNA

TCTCTATCTTCATATTCCAACAACAAAATCATCCATTGATCGGTAAATTCTCTCTCTTTTTCTCGTTTACGCGTTT
TCTTTGAATTGGAATTTTCTTTTGATCTGCGTATTAGACAGAAATCGGAACTCGAAGCGCACCGTGCGCTGTGC
CACGGTGAAACAGGGAAG

>trans_s_6669 GQ923778|Dimocarpus longan cultivar Honghezi auxin response factor mRNA,
complete cds

GCTGTAGATTTAACCCGGTTCATCAATATGATGATCTACTTAGGAACTGGAAGAGATGTTTGACATAGAGG
GGGAGCTTTGTGGCTCTCTAAAGAAATGGCAGGTTGTTACACCGATGATGAAGATGATATGATGATGGTTG
GAGATGATCCTTGGAAGTAAGTAC

>trans_s_6670 EU343794|Grimmia trinervis voucher MO Price 1547 18S ribosomal RNA gene,
partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed
spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTCCGGGAAAGTAAATTTCCGGGAAAGGAAGCAAGGGGTTGGGAGATC
AGGCAGCGGCCAGACAACCGTAGGGATGGTATCCACAGATGATGGGTTTCTTTATCCCATTTTGTCTACACT
AAGGTAGAGTATAAACGCTGGGGTC

>trans_s_6671 EU401726|Capsicum annuum chloroplast ferredoxin mRNA, complete cds; nuclear
gene for chloroplast product

TACATGTCCTGATGATGCTTACATTTTAGATGCGGCTGAGGAAAATGGGATTGATCTTCCTTACTCTTGACAGAG
CAGGGGCTTGTTCTTCATGCATTGGGAAAGTGGTATCAGGGAAATTGGATCAATCTGATCAGAGTTTCTCCAG
CAGCAGCTGGACGAGACTTTTG

>trans_s_6672 NM_179820|Arabidopsis thaliana BTB/POZ domain-containing protein (AT2G30600)
mRNA, complete cds

GTAAGCTCATTGAAGAACTTGTGAGAGGAAGTTCTCAATGCACTTTGATTATTGTACGACTGCGAACATTGA
ATTTGTTATGTTAGATGAGTCAACTTTCCGCAAAATCCTTCAGTGCCCTGATTTGACAGTGACGTCTGACCTTTT
TCATGAGTTACGTTAGAATAG

>trans_s_6673 AF479122|Hypericum perforatum 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GGTGAACGTGTACCCAATCAGCTAGGATAGAGACAAAAAGGGTTTTGTCTCTGCCGCGGACAGCGCGAACT
TCGAAAGGGAATCGGGTAAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCTAAGGCCTCT
GCAGCCGCCCCGAGCCCTTCTTT

>trans_s_6674 FM208067|Chrysitrix dodii partial ppc4 gene for phosphoenolpyruvate carboxylase,
specimen voucher BOL A.M. Muasya 2800, exons 8-9

TGTTGAGATTTATGTTTAAGTTTGTGATGGTCATGATGATGATGGTGTGTTTCTTGTTGTCCAGCAGTTTGTA
GAATTTTACATGGTTTGTGTGAGTGAGAGTTCATGTAATGTAATCAGAGCTGGGTTTTGTCGCGCCGCGGGAC
GGTAGGTCGCGGAGCCAGCCAT

>trans_s_6675 GQ997227|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

TAAAAATACATGATGGTATACACATAATGGTATTGTGTGATTAGCCAGATGTTTATGAGTGGATGGTTAGAAA
CACCAAGATATACAAAGGATTAGTAATGGAGATTTTCAAAATTATCCAAAACCAAAGAGAGAGAAGGACAT
TTTTGCTGGTTAACTCTACTGCG

>trans_s_6676 DQ673259|Jasminum subhumile psaA-psbB fragment, chloroplast

AAATAGAGCTGAGGTTATAGTTAACTGCTAGTAGAAAACCGAAATACTAGTGATAGTAAGCATGACGAG
GCTAAATGAAATACGTTATTTTATCCATATGTTTATAAAGCACTTCCCTAAGTGAGGAGGCACCCCTTCTCCCG
AAGTTACGGGGCTATTTTGCCT

>trans_s_6677 AF043539|Spinacia oleracea ClpC protease (clpC) mRNA, chloroplast gene encoding
chloroplast protein, complete cds

AGAACCATCTGTGGATGAAACGATACAGATTTTGAAGGGCCTTAGGGAGCGCTATGAAATCCACCACAACTT
CGTTACACAGATGAAGCAATAGAAGCTGCTGCACAGCTGTCATATCAGTATATTAGTGATCGATAGAACGGAC
TGTTCCGTTAGCTGAATCGGTAT

>trans_s_6678 AB267820|Ipomoea nil In15 mRNA for cysteine proteinase precursor, complete cds

CGGCAGATCCATACCCTACGAGGAGAACTCCATGATCTAAATTTCTGTTTAGAGCATATGTATGGGCATGAAAC
TCCCTTCATGTATGTTTGCATGAAACTGCATTGATTCCAATTGCTAGAGGGCCATTCTTGACCAAGTTGGCTG
CAATTTGATCAGCATCGTTTGA

>trans_s_6679 DQ145528|Hordeum vulgare subsp. vulgare myo-inositol monophosphatase 1 gene,
exons 4 through 10 and complete cds

GTCAGCCCCGTAAGCATAAAGTTATTGCCGTGGTATCTAATGTCCAGACCATTTGATGGTTGGATGTTTCGT
TTTGAGGGCATAGAGTAATACACAGGTCTTTGCGACACAGTTAGCTTATATAACAAGCTTTCTGTTACTGAAT
CCCTTAACAGCCCTCGGAGAT

>trans_s_6680 XM_002882901|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATNAC3, mRNA

ATGAGCCCCCATTGCTGCATTCCATACTCGAAATGCTACTCGTCATTGGTGGCAGCTTTTGCGCACTTGAATTC
TTCTTGATATTCGGCATAAAACCAATCATCCAGCTTAGTACTACCGTCTTGCGGGAAGTATCAATGAGGCG
ATATTCATGCATGATCCAATT

>trans_s_6681 GU011721|Tabebuia rosea microsatellite B6_seg33 sequence

GACCGCTCGAGCGATCAACCTTTCTTAGGACCCTTTCTGAAGCGATCAGAGAAGAGAAGAGAGAGAGACG
GGATAGGCAGCCGAGAATTCCAAAACCAAACCTTAACCTATTCTCAAACCTTACTATACATTCTTCAGAG
GTGGACTTGACCACTGCACTCAC

>trans_s_6682 HM991263|Pistacia vera NADH dehydrogenase subunit 2 (ND2) mRNA, partial cds; chloroplast

ATCCCGATCCCGAGCCACTCGAATTTTCGATATTCCTTTTTATTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGA
AATCCTAGCTATTCTTAGCATGATATTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCATGTGGATGCAGGGTACGCATCCA
TACGCCTACTTGCTAACTGG

>trans_s_6683 XM_002892202|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata arginine N-methyltransferase family protein, mRNA

CATGCCATTTTAAAGAACAAGCATCACTTCGAAGGAAAGACTGTATTAGATGTGGGAACCGGGAGTGGGATT
CTAGCTATTTGGTCTGCACAAGCAGGTGCAAGGAAGGTATATGCAGTGGAAGCAACTAAGATGTCGGAACAT
GCCCCGTGCACTCGTTAAAGCTAACA

>trans_s_6684 GQ487332|Cucumis sativus metallothionein-like protein type 3 (MTP-3) mRNA, complete cds

GCAGACAAAAGAGACCATTAAACAAGCTATTTGTTTTCCCTTCTCTTGCAACTTTTTAGCTTCTTCACCATGTCGT
CATGTGCGTTGTGCGACTGTTCCGACAAGACCCAATGCGTGAAAAAAGGGAACAGCTATGGCGCTGTCATCA
TGGAGAATGAGAACAGGTAATT

>trans_s_6685 Novel Gene

TTACGGTGCCAATCAGGCAGACGAGTATACCATTTCTGATTTTCATGCTTTTCTCGCTTGAGAATAGTATATGA
GCGGAGCGAGAGCGACTAGAGTTGACTTCAGGAATAGAGGTTTTGATGTAGTTGCCACGTTTTTGCTTTT
TCATCGAGATTGGGTTGGCCGG

>trans_s_6686 NM_001068947|Oryza sativa Japonica Group Os08g0545200 (Os08g0545200) mRNA, complete cds

CCTTTCCACCTACCTCCTTGGACCCCATGATGTCAGAGTTAAGATGAAGGCCGTTGGTATCTGCGGCAGTGA
TGTTCACTACCTCAAGAATATGAAATTGGCACACTTTGTCGTTAAAGAGCCAATGGTGATTGGGCATGAATGC
GCTGGCGCACATGCTGAGACAT

>trans_s_6687 AY576209|Arabidopsis thaliana strain CS902 60S ribosomal protein L23 (RPL23A) gene, exons 1, 2 and partial cds

GGCAGGATCAACCAGGTAAATGTAGAGACCAAATGGAACAGATGTGAGCTAGAAATTTACACACATCTGTA
ACGATGGACTACGTCGATTTTCCAGACTTGTAAGTGTATCAAACCATTATAATTAAGAAATGATACATGACTAA
GTCTGGGAGCTCAATCCGCATC

>trans_s_6688 AY605496|Nothofagus obliqua ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) and acetyl-CoA carboxylase beta subunit (accD) genes, complete cds; chloroplast

CCAACAGTTCCGTGCTGTCTCCAGATACATTATTTTGATAAGTAGAGTTCCGAAAATAAAAAAGAACTTTCT
AGTTCACTTACAAAAGAAGGATCATTGTCAATCTCAAAAATTTGATTTTCAATATCCAAATAGATGGAATAACT
GCAGCTATTACTATCCCTAA

>trans_s_6689 NM_001125678|Arabidopsis thaliana CPuORF48 (Conserved peptide upstream open reading frame 48) (CPuORF48) mRNA, complete cds

TTACAGGAGGAGGCCTGGGCAACATCTCTGCCAGCGATTGTAATGACACTCGAGAAATATCTCATCTATCAAG
CAAATAGCACCAAGTCTTGAACAATCTCGGAATCAAATCGAATTCAGTTCCTTCCACGTCCATCTTCATCACTACA
AAATCCTTCTCGGTTACGGT

>trans_s_6690 FJ410941|Cucumis melo centromere-specific repeat A sequence

TTGACACCACATCAAACCCCCGGTCCAAAAGATGGCCGAAGCTTCCAACGAGTGGCGAACGCTCGTCCGGTGT
CAGAAACCACTGGAAATGCACTTGACGCGAAGGAAACGGGCTGAGCTCGAGGACTTCCGGTGCTCGTCCCAA
GAAAACGCGAGCGGGAATGCCCC

>trans_s_6691 NM_001062508|Oryza sativa Japonica Group Os05g0502000 (Os05g0502000)
mRNA, complete cds

GTTGTCCGTGAGCACCAACATGCACCTGTGATGTGGGCAGCAACAAAGTAAGCAATGAGATTGAGAGCAATG
CCCCACCAAACAGTGCCAAAGATGTAGCCAGAAAGGTTTTGGAGACGTCGTAATAAGCAAACAGAATGATAC
AATTTTGC GTTAGCATCCGCAGGG

>trans_s_6692 AJ506156|Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

GGCTCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTCATTCTTCCGAGGCTTCTATATTC
AGACTCCAAATATCAGAAGGCGGAGGCTGGGTCAAAGCATATCTGACTTCATAATCTGACTGAATGAGGAAT
AAATATTCTATTATCTTATCTC

>trans_s_6693 BT003013|Arabidopsis thaliana At5g64030/MBM17_13 gene, complete cds

ACATCTCTTTGAAAAGAAATCCTCCAAAGCTGGCCACCCACATCCAACATCCAGAATTACACGTGATCGTTT
TCCCCAAGCGAGGTCAATTGACAGACTCCTGTATAAGTCAATATAGTGAAGAGCACCGTGCTTGAAGTGGGTCC
CACCACCAGGAAATGTAAAGT

>trans_s_6694 NM_128517|Arabidopsis thaliana THIC (ThiaminC); ADP-ribose
pyrophosphohydrolase/ catalytic/ iron-sulfur cluster binding (THIC) mRNA, complete cds

ACCTGGGCATATCCCAATGCATAAGATCCCTGAAAACATGCAAAAACAGCTTGAGTGGTGTAATGAAGCTCCT
TTTTACTCTTGGTCCTTTGACTACAGATGTAGCCCCTGGATATGACCACATTACCTCTGCCATGTTCTGACGG
TTATACAAACAGAAACCGGT

>trans_s_6695 AF479231|Dipsacus sativus 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCGTCTCGTGTTGCTGGGACAACCTCTGC
AACCCCTGCAGCTGTCCAACTGTGGCTGCAACAATTGGGTGTGCGTGCTCACCGCCCACGTCGATGTGATCG
CACAGGGATTGATGGCGCGTGTC

>trans_s_6696 AF206856|Asimina triloba 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

ACCTGACTCTCGAACGGACTTAGAAACACTCGATGGCAAATGATGAACACCTTATTACCGCTTATTGATATACT
GATGCTCTGTGCTGACTCAAACCGTAGTAATTCTAGAGCTAATACGTGCAACAAACCCGACTTCTGGAAGGG
ATGTGCCCCAATCACGGGGTT

>trans_s_6697 DQ414725|Cucumis sativus cultivar guonong25 raffinose synthase mRNA, complete
cds

TTGATTGATTTTGTCAATTGCTTTGTAATATGCCTTTGCCAAGTCCACTCTCCCTCCATAGTCTTCACACAACATCT
CCAACAGGTGGATAACGTCAATCTTAACACCGTCGATCCCAACTTTCTCCAAATGAGAATGAAGTCCTTCATAC
ATCTCCTCCGCCTTCTCC

>trans_s_6698 GQ487332|Cucumis sativus metallothionein-like protein type 3 (MTP-3) mRNA,
complete cds

GAGAAATAGTGTCTGTTTTATGTTCAAAAACCTCTGTTCTTAGCTAGAGGTGTGTTATGAATAATGTCTATTTCT
GTTTTTCATTCACAGTCATGTAATGTTGGTCACTTGTGTCCATGGAGTTAATGGATAAGTTATACTAGTACACTC
TCTATTCCTCTCAGAGAG

>trans_s_6699 XM_002502794|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6 p-type ATPase superfamily
(MICPUN_59266) mRNA, complete cds

GGGGGCCTCACTACACCTTTAGCTTGTTTTCTGCAGATTAAGCATATGAGAATGGAGCTAGTCATAGAGGCCG
AAATTTAGTCTTCGGCGGTGTTACGTGGGGGCCTATCCTTTCAATGTTTGTGCCTCTAAAACTCCGCTATAT
ATTAATCCGGGTTACTGTCC

>trans_s_6700 AY664418|Zea mays cultivar Mo17 locus 9008, complete sequence

GGATAGCTCGAGCATGCCTGAGGAGCATGGTGATGGTTGTGAGGAGCATGGTGATGGTTGTCTGAAGGTAG
TGGAAGCTAGAAACAACACCACCCACTCGCTCCCGGTTACTGGGACGAAGGAATGCTTAGTTTAGTTCTACAG
TGACTACCCCATGCCTTGTGTTGA

>trans_s_6701 M62572|T.portulacastrum chloroplast ribulose-1,5-bisphosphate
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, complete cds

AACCTGCGTTGATAAAAGATATTGGGATGTACTATTAAACCAAAATTGGGATTATCCGCTAAGAATTATGGTA
GAGCAGTTTATGAATGTCTACGTGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATGATGAAAACGTGAATTCCCAACCATT
ATGCGTTGGAGAGTGGCAAAG

>trans_s_6702 Novel Gene

GGGAAAATAAATAAACAAGATTTATCATATCCTTTTATTGTGTATCAAATTTATGGTTTCTATTGGTGCAAATC
CAATCATCTCTATTTTCAATTTTAGATGAGAAAGAATTCCCCATTGGTAACAAATGCTTATCCATTAAGCAGAG
GAAATCCCGCCCTTGTCCC

>trans_s_6703 EU161462|Taxus baccata 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGCACATCTGTTAAAAGATAACGCAGGTGTCCTAAGGGGGACTCATGGAGAACAGAAATCTCCAGTAGAAC
AAAAGGGTAAAAGTCCCCTTGATTTTGATTTTCAGTGTGAATACAAACCATGAAAGTGTGGCCTATCGATCCTT
TAGTCCCTCGGAGAAATCTCCG

>trans_s_6704 X80212|Funaria hygrometrica 18S rRNA, 5.8S rRNA and 25S rRNA genes and ITS1
and 2

AGGGACAGTCGGGGGCATTCGTATTTTCATAGTCAGAGGTGAAATTCAGCGGGGGCGGGCGCGGAACGAAA
CGATCCGCTCCTCGGTACATATAAGTTGCTACCATATGACAGATATGATATCTGTTTCGCGGAATACAGGCTCG
CGGACTCGCTCTCGCGACGCGCT

>trans_s_6705 NM_104815|Arabidopsis thaliana F-box family protein (AT1G61340) mRNA, complete cds

AGATTGAAATAGTTTCGCATTGTATCTTTCATTTGATTATTGTTTCTGAATAGATTTTCCCCCTTTATCTTCTCC
ATCAGATTAGGGTTCTCTGCGGTGTGGAACATGATGATTTGAAACAGCTAATCCGCGTTTCGAAAACAAACGA
ATTTCCGACTTTTCGGTAC

>trans_s_6706 AY103299|Arabidopsis thaliana AT3g27090/MOJ10_18 mRNA, complete cds

TCAGGTAAGGATCCGCATCAGGAACTCTGCAGGGCACTAGAAGAAGATTCCTTCCGGCCAGTCTTGACCAC
TACGACGGTCCAAAATTCGCTCTGAACTATCAATCCCTGAGACATTGGATCTTCTAGACCTGTGTGAGCAAGC
AGGTTTCAGCATACCTATCGT

>trans_s_6707 AF479121|Hydnocarpus heterophylla 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CGAACGTGTACCCAATCAGCTAGGATAGAGACGGGGGAAACCCAGACTCACCGCGGACAGCGCGAACTTC
GAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCCTAAGGCCTCTGC
AACCGCCCCCGGAGCCCTTCTTG

>trans_s_6708 GQ998808|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete
cds; chloroplast

AAAGAATTAAGTTATTACTCAACAAAGAATTTTTTTAAAGGATGAGATCAATTCAGAAGTAACCTTTTTCTTTA
TTATTATAACAGACAGAATTCTATTGGGTAAATTTGGGGACACACGCGCCTTGCGGCATGTCGTCTGGTGAGG
GATCTCTCTGCTCTGGAAG

>trans_s_6709 XM_001698501|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGCAGACCTGACATTGATGTGTTACACTTCTTCAGGGTTTACGTGTTTGCAGTGGAGGTTTATGATCACGTC
CGTGTTTCAGCTAGTGACTCTATTCTTGAAGAAGCGGAATTGATCCAGGGCGCTAGTGAAGCAGCCAGCTTCTG
GTTTGCATAAATGGATATGA

>trans_s_6710 DQ673259|Jasminum subhumile psaA-psbB fragment, chloroplast

TGGTGTGCGAAATAATAAACTAATGAATTATTCTTGATCCCGTTCGTCAAAGATCTCTATTCTTAGTTTCAATTTT
TCCCGGTTTATCAGAACCTTTTTTTTCGATTATTACATAAGTAGTGAACAAATTCATACTTAAAAACAATTCTAT
CCCCACCCACAAAAAA

>trans_s_6711 NM_116033|Arabidopsis thaliana lipase class 3 family protein (AT3G61680) mRNA, complete cds

AGGAGTCCTTGTCACAGAGGAATCTACGAGGCTGCTAAAGGAATGTATGAACAGATGTTGCCCGATGTCCTT
GAACACCTAAAATCCACGGTGACCGTGCAACCTTTCGATTTACCGGACATTCTCTCGGGGGAAGTTTGGCAC
TGCTTGAAATCTCATGCTCT

>trans_s_6712 AB024081|Cucumis sativus NPR gene for NADPH-protochlorophyllide
oxidoreductase, partial cds

AGATATTCTCTTCAAATGCTTAAGATAATTTAAGACCATCAATTTTTGCTCTCTGGTTGTTCCCTTTTTGTTCT
AATGGCTCTCCAAGCTGCTTCTCTGGCGAACAGTCAACTCAGAGTCAGACTGTGAACTGCGAATGGAGACAA
TTTAGTCACGCGACCCAC

>trans_s_6713 AJ271114|Pinus wallichiana partial 25S rRNA gene

ATATGTTTACGGTAGAGCGTCCGCCGTGGGGTGCTGGAAGGCGCCGCCCGTGAGGGTAGTGCCAACCTGCTC
CCAGGGCTTCTGCTCAAGGCCCAACGCACCCAACCCTTAGAGCCAATCCTTATCCCGAAGTTACGGATCTATTT
TGCCGACTTCCCTTGCTACA

>trans_s_6714 AY258274|Cucumis sativus Calypso ribosomal protein L5 (rpl5) and ribosomal
protein S14 (rps14) pseudogenes, complete sequence

GTTAAATAGAAAGATGAGAAAAAGGACCATTTTGCAAGAAAAAGACGGGAAAACGCAATGAAAGAATCAA
GCCTATCAAAGAAATTCACATTGTTTGATTCTAGTTCTAGTTTCTGGTCCGGATAAAGAGAGGAGAAAGAAAT
GTTTTTCACTCACGGCGTACCGT

>trans_s_6715 AY258274|Cucumis sativus Calypso ribosomal protein L5 (rpl5) and ribosomal
protein S14 (rps14) pseudogenes, complete sequence

GTTAAATAGAAAGATGAGAAAAAGGACCATTTTGCAAGAAAAAGACGGGAAAACGCAATGAAAGAATCAA
GCCTATCAAAGAAATTCACATTGTTTGATTCTAGTTCTAGTTTCTGGTCCGGATAAAGAGAGGAGAAAGAAAT
GTTTTTCACTCACGGCGTACCGT

>trans_s_6716 AF254866|Amaranthus tricolor 23S ribosomal RNA, complete sequence; chloroplast
gene for chloroplast product

GGATTGGCTTTGGGCCTTCTGCGCAGCTTAGGTGGAAGGCGAGAGGAATTTTTTCCGGGGGGGCCCCAG
CCATCAGTGAGATACCACTCTGGAAGAGCTAGAATTCTAACCTTGTGTCAGGACCTGTAAATTGGAAAGTGAC
TCTGAACGAGTGACCAGACGTT

>trans_s_6717 AF378576|Jarilla heterophylla internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; internal transcribed spacer 2, partial sequence

CCACTTCGTGGGGACCCGGCTGGAGGTAGGGAGGAATTCATTTAGATAAATTAGATTTCATTAGATAAGGG
CTCAAAGAGGGAGATATCTTCAATCAGAAAAATCGGGCGTATTACTATGTTGCTGAGAGCCGTTGCCTATAGA
GCCGAGAGCGTAGCTACTTCTT

>trans_s_6718 XM_002892886|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CYP72C1, mRNA

AGTGGGTTTGTGTGGTTCTTGGGATTACTGGGATTATGGGGATGGAGGATTGTGAATTGGGTTTGGCTTAG
GCCAAAGAGGCTTGAGAAGTTGTTGAGACAGCAAGGCCTCGCCGGCAACTCTTATCGGTTTCTGTTTGGTGAT
ACAAAGAGAGCACCAAGTGCTAC

>trans_s_6719 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

CCTCTGATTTGTCTTTTCTCTCTGACTCTACTCCACCTCTGAACTATGTCATGGTCTCTCTCTTTCGTCTT
CTCTTTACAAGATTGATGGGTGGGGTGCTCCTTATTTCTCTGTTAATGGTCTGGGAATATGGCTGTTCTGCTCTT
ATGGGACTCGATGAA

>trans_s_6720 NM_128826|Arabidopsis thaliana ATVAMP725 (ATVAMP725) mRNA, complete cds

TAAGGTGAAAGCTCAGGTATCAGAAAGTGAAGGTGTTATGATGGAAAATATTGAAAAGGTTCTTGATAGAGG
AGAGAAGATAGAACTTCTGGTGGATAAGACAGAAAACCTTCATAACCAGGCACAAGACTTTAAGACTAGTGG
AACAAAAATTCGAAGGAAAATGT

>trans_s_6721 EF213076|Elaeis guineensis cultivar Tenera calmodulin-like protein mRNA, partial
cds

GGGATGGGTTGCTGTGTGCGGGGGATATCGAACGGTACTGGAGGTTGGGGAGGAAGAGAAGTTGAAGGA
TTTGAAGGAGGCGTTTGCTTTGTACGATAGTGAAGGTTGCGGGTTCATAACTCCGAAGATAAACTTCTTTTAC
GATTCCTTTAATCCCCTTTCCTTT

>trans_s_6722 XM_003080816|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot08g02940) mRNA,
complete cds

TCACGCAAGATGATTATCAGTCTTAGGAGTGAAGTGGAGGGATCTTGTTCAAAGTACTACGAAAGCGAGAGA
GAGACTACGGGGTCAGGGTAACTTCAACCTTTCCGGGCTGGGGCAGGCCTACCTCCTTTTAGCACGATGACC
TCTTAGTGGAACAGAGACTTAC

>trans_s_6723 XM_002320997|Populus trichocarpa glutaredoxin (PtrGrx5), mRNA

ACAAGATTTCTTCTAAACAGAAAAACCACATTCCTCAAGAGCCATGGATATGAATGCAGTGAAAGGGTTGGTA
GCTGAGAAGCCAGTAGTGATCTTCAGCAGGAGCCAATGCTCAATGAGCTATACAGTAAAGACACTTATATCAA
GCTTTGGGGCTAATCCTTACA

>trans_s_6724 BT008712|Arabidopsis thaliana At4g24570 gene, complete cds

CGGTGTCTCTGCAACTGTTCTCCGGCAAACCTTTACTCCACCACTCGAATGGGTCTTTACGACATCCTCAAGAC
TAAATGGTCCGATCCAGATTCCGGAAGTATGCCTCTAACCCGGAAAATCACTGCGGGGTTAATAGCTGGCGG
GATACCCGCCACGCCAAATT

>trans_s_6725 AP009376|Nasturtium officinale chloroplast DNA, complete sequence

AATTTATTTTTTATGATATTTTTAACTTTGAGCATATATTAACATATATCTTTTTCGGTCATTCATAACAG
TAATGTTAAGTCAATTATTGGAATAATTAGTTACTTTGGCATCTGAGATACAAAGCAGTCTGGGAAATGCAG
CGACCGTCCCCCTTGC

>trans_s_6726 GU253311|Zea mays mRNA sequence

AGAGAACTCAGAAAAGTTACCACAGGGATAACTGGCTTGTGGTGATTGGATACCTGCGATAGTAGCGCGG
GGTGGAAGAGGACAAGAAAATAACCAGCTAGATTGCAGACCAACCTTACCCCTTTCCAGATGGTAGCTTCCT
TATCCTGGCTCAGGATGAACGC

>trans_s_6727 AF377997|Daphniphyllum calycinum PSI P700 apoprotein A1 (PsaA) and Ycf3 (Ycf3)
genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

GGGCGTAGTCCGCAAATCAAAGGGATAATTTCTCAGTGAAGAACCAATCAAGGAATTCATTATATCCCTTCT
AATCTAAGATCCTTCAATTTTAAAACAACCTCGGGGAGGATCCACTACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACA
CAGAGACGTCTTGTGAATGG

>trans_s_6728 HQ328941|Hordeum vulgare ethylene response factor 1 (ERF1) gene, complete cds

TCCTCCAGGCTGGAGCCCCGACAGGTCTGCACCAGCACGTGATCGCTCTCCAGTTCGTAGTTTTACCAATCCA
TGATGGAACGTAGCAACATTCCACCTCGAGGAATTGAAAATGCTAGTAAGAATGGTTCTGGAAGCTGGAACC
AAGTTTAGGTGATTCTATACG

>trans_s_6729 Novel Gene

GCGCGCGCTATATTATATATATATAGGGTAGGGGGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGATTGT
GAATCCACCATGCGCGGGTTCAAAGGGCAGGTAGCTTTCATACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCT
TGTCTCAAAGATTAAGCCATGC

>trans_s_6730 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TCATGAATAACAATAGATTCTAGCGACCCGATCGGACGAGTCGAGAATTGAATAGTATAACATAGGAAGATCT
TTTATCCATACCGAATTTAAACAAAATGGGAAAAGACAAACCATCAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATG
CCTCAGCTGCATACATCACTG

>trans_s_6731 AY258274|Cucumis sativus Calypso ribosomal protein L5 (rpl5) and ribosomal
protein S14 (rps14) pseudogenes, complete sequence

GCGACCCCTCTTCCGAATGAGACTGAGATCAACTGAGAAAGGCTCTGCCCTGCCTTCCGCTAAACTAGATAAA
TGGATATTAGATCAAAAACGAGAGAGGGATATCCCACTATTCTCAATATAGTAAAGTAAGGCGGAGAACTCTT
GGGACGGGGAGGGGCCTCCAA

>trans_s_6732 S51460|patatin A gene, patatin B gene [Solanum tuberosum=potatoes, HH578,
tetraploid, Genomic, 4116 nt]

AGAGGCAGAAAGGTAAGTAAAGACTCATAAGTGCAGTTTCTCTCTTTTCAGTCGAGACCTTGTTTCATCTCAAC
TCCTACGGAGCCTCTTCTCTCTCAAATCCTTTGAGCCTTTCTCGTTGTGAATAACTATTCTATGTGAATGATCCCT
TGTTACCAGAACGGTT

>trans_s_6733 GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal
RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

AGATATCTTTGCAGCTCTGGGCGACGGGAGGTCACGGAGAGGGACGCAGGGGTGAAGCGTAACACGCTTGA
TATTGCTTCAAGGGAACGAGTCAAATTGTTTCCCTCTCGACGATGAAGCTTATCCCCATCGTCTCACTGGCC
GACCTTGACCCCTGTTATTTG

>trans_s_6734 AY643519|Acacia mangium CesA1 mRNA, complete cds

TTGCAGGATTGGTTGAAGGTGGAATACCTCCCATTTCCATGAAAGTGGCTGCAATAAAAACTGGAGATTGGCC
AAAGCGCTTCTCTAACTCTTCTGAGACATCAGGAGTGACCTCTCATCATCATATCCTTCAACACCTTCCTCGAT
ATCTTCCATATTAAAGATG

>trans_s_6735 AB240965|Glycine max GAD mRNA for glutamate decarboxylase, complete cds

TCTCCCCTACTCTCTTTGCGGGATCGAATTTTCCGGCATTTTGAATCTTGGGAGAGAGGTTCCGACATATCTGG
AAGCGAAGGTGGAATGGACGGAGACATCGGTCTGAGAAGCGGTTTTGGAGAGAACCATGGCGGATGGAGA
TGGAAGAAATAGTAAGTTGAAGA

>trans_s_6736 AF479231|Dipsacus sativus 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCGTCCCGAGAGAGGGCGGAGTTACAC
GCCCCGCAGGGATCGAAGAGATTATGGCAGATTATGTTACCAAGAAATGACCCGAAATTGGGCTCCCCAGA
TAAACTCTAACAAGGGGGGACGA

>trans_s_6737 AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

ACTTACGGTTAAGTGGGTGCTTAATTAATTAAGCTTTTATGTATAGTAGCTTTGGTTGGAGGCTATGTGTGTG
TGTGTGTGTATGCAAGTCCCAACCTTGTTTCATGGCTACATTCCTAAATTTTATGAAATAAGGCTGGTTTTATATC
TGCCTTCCCTTTTGCTT

>trans_s_6738 NM_124273|Arabidopsis thaliana 5' nucleotidase family protein (AT5G48960)
mRNA, complete cds

AGATGACGCTGTGTTTGTGCGCCATGGACTCCAAATCAGTTGGTGTGGAGGTGATGTATTTTCTGTTACGTC
ATCGGCTAAGTCCGGAGTTGATTATCTTGGACAGAGCACTAAAGGAGATATGAATGTAAATTCGAGCATCTT
GATGCTTATAACAGGACAAAT

>trans_s_6739 AF195029|Glycine max plasma membrane Ca²⁺-ATPase (SCA2) mRNA, complete cds

CCCATGAGAGGAGTTTCTTGATCAAATGGTCTGTAGTAGGAATGCCTGTCTCCGTCGATGTGGCGAGCTTAGT
TGCAATACCTCAGCGCCCCATGAATCTTCAACTTCTTCACGTACGGCCGTCACAATGGAGCCTGCTTCAT
CTGCACAAATTTCAAAACCT

>trans_s_6740 AY104292|Zea mays PCO099333 mRNA sequence

CGAACCCGTCGGCTGTCGCAATGGCATATGTGTCTGGAAATCCAATTATGACGGATAAAGAATTTGACGATTT
GAAGCTGAGACTTAAGATGGAAGGGAGTGAAATTGTGGTTGAGGGTCCCCGATGCAGTCTCCGGAGTAGAA
AGGTATGGTATTTTGAGGCGGTG

>trans_s_6741 AB516320|Asparagus officinalis chloroplast gene for ribosomal protein L16, partial
cds

GCTGTTGTAAACCTACGTATATTTCCGGACAAACCCGTTACACTAAGACCCACAGAAACACGTATGGGTTCA
GGGAAAGGATCCCCGAAATAACCCATCGACAACAATTTGGTCCATCTTATGAAATACTTTACTCACCTCATCG
GCTTTTATAGATTGGAAAA

>trans_s_6742 NM_001052130|Oryza sativa Japonica Group Os02g0102200 (Os02g0102200)
mRNA, complete cds

TGACAAGAGCTCCATTATATCCCAGAACATGAGGAATGCCACAGCTCGGTTAGACAATTCTCTAACAGCATCT
GGAECTACAAGCACTTCGTTGGCAAATACCAGTTTCTTCAAGATGAGACAGAGATGCTCCACTAGACTGGACT
CCAGTGTGACATCAGAGTCC

>trans_s_6743 AB294513|Cucumis melo var. cantalupensis ETR2 mRNA for ethylene receptor,
complete cds

AAATTCTTACCGCCCTGGTTTCCTGTGCTACTGCTATAACCCTCATCACACTTATTCCTTTACTTCTCAAGGTGAA
AGTGAGAGAGTTTATGTTGAAGAAGAAGACATGGGATCTCGGAAGAGAAGTTGGTATGATACTGAAGCAGA
AAGAAGCTGGCTTACACGT

>trans_s_6744 AY008845|Elakatothrix viridis 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTTCCCTTTCGCACTTAAATATTTAGAGATATGTCCCGGAACGGAGTTTCCCTATGGCTTAGGATCGACTAACC
CGTGTCCAACCTGCTGTTACACGGAACCTTCCCCACTTCAGTCCTCAAAGTTCTCATTTGAGTATTTGCTACTA
CCACCAAGATCTGCACT

>trans_s_6745 GU011751|Tabebuia rosea microsatellite D8_seg64 sequence

AGTGGAGGACCTGGATCTGCACCCACAGGTCATTCTCCTGGTGGAGCTGCTGCTGGGTATGGCAATCAGGGT
TATGGATATGGTGGGTTTGGTAATCAAGGTTATGGTTATGGTGGAGGTGATGGCTCGTACGGTAGTCATAGA
CCAATACCATGTTGACCTCCTG

>trans_s_6746 AM886168|Vitis thunbergii mRNA for DNA-binding protein (wrky7 gene)

AAGGGAAACCCAAATCCAAGGAGTTACTACAAATGCACAAATCCAGGATGTCCAGTAAGAAAGCATGTAGAG
AGAGCTTCACATGATCTAAGGGCAGTGATAACAACCTTACGAAGGGAAGCACACCACGATGTTCCACCGGCA
CGTGTAAGTTCCTGGTAAAAA

>trans_s_6747 Z97340|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 5

GGGGGCTTCCAAAAATTGACGGGCAAGCCCCACCGAAAGTAGGGTGGGATGGCTCGCTCGCGCACATGTAC
CGTGTGTTTCGTATTGGTAGGTGTCGGCACGACTCGTCGTCTCTATACGATCATGGACAAGTCGCCTTTCACCCC
CTGACAGGTCGGGTTACTCT

>trans_s_6748 AF188678|Pisum sativum P72 DEAD box protein mRNA, complete cds

CAATCACATGATACCTCAAATGGAATACACGGAGCACCTAGTACTGGGCATGGAGGAGCACCATTGAAAGGA
CACAAACCATCAGATGCAGGAAGTGGTTTATCTGCCGACTCTTATCGTCAACGACATGAAATAACTTTTTTCGGG
AGATTCTACACTACCAAGTGA

>trans_s_6749 GQ354536|Spartina pectinata microsatellite SPSP013 sequence

TCGCAAGCTTTTATATCTCACCAGAGAGAGCCTTCCAGATTACTCCGCGACTCTAACAGTACGTGGTGAGACTA
CTATACACGTGATAAGTTTCTCTAAACCACCCCAAAGTCTCCTTCTCTGCAAGAGACCTAGCTTCAATCTGAAG
CAGGTATCAATAATTGGG

>trans_s_6750 EF363796|Cucumis sativus phospholipase D mRNA, complete cds

AATGCCAAATGGAGATTCGGATAGGAGGAGAATTGTGAGTTTTGTTGGTGGCATTGATCTCTGTGATGGCAG
GTATGACACACCCTTTCACTCCCTTTTCAGGACATTGGATACTGCACATCATGACGATTTCCATCAACCAAACCC
CCATGGTGCAACATAGGTA

>trans_s_6751 HM363117|Chasmanthium latifolium 5S ribosomal RNA (rrn5) gene, complete
sequence; chloroplast

GCGCCAGTTCTGCCTCGGTCTCATGCAAGTAACTGAGGCAACAAAGAGAAGAAAAGGGGAGGTTTCAATGTC
GCACAATGCTCGTATGGCCTGAGATACAAGTTCCTGTGAGTCATGAATTTAAGTGCTACCAAGTTCGGGATG
GATTGGTGTGGTTCCTCTACG

>trans_s_6752 FM992549|Zygnematales sp. M2697 chloroplast partial 23S rRNA gene, strain M
2697

GACGAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTCTAAGAGGTCTAATGAGGTGGAAGGATAACGGGCC
GGTTCCTTGGGCCCAATAATACCCGATAGGTAGGCCTATGACTGACAACCACTTTTTTTGTGAAACAGAAAA
GTTGCCTATAGAGCCGAGAGCG

>trans_s_6753 FJ082794|Pinus taeda isolate 5296 anonymous locus 0_8552_01 genomic sequence

GTAGGAAAGTGAGTTCTTCGTTCCGTCGTTGACCCTATCTATGTTTCTATGATGGCCCAAGAACACGCTTATTC
TTTAGCTGTAGAGAGACTTTTGAATTGCGAGGTACCATTACGAGCTCAATATATACGAGTCTTATTCTGTGAAA
TCACTCGAATAAATTATC

>trans_s_6754 EF207454|Pterostemon rotundifolius inverted repeat B, partial sequence;
chloroplast

CCGTAACCTTCGGGAGAAGGGGTGCCTCCTCATGGCAGTGATGAGCTTATGAGATTGTCATGCACCACTCTGAT
GATATGTGCTGATAAGTTTCTCTAAACCTCTTGGGACTCTTCTCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGA
TGAACGCTGGCGGCATGCT

>trans_s_6755 GQ998854|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ribosomal protein S12 (rps12) gene, complete cds; chloroplast

CTAAACCAACTCAAATACATATGTTAAGAAACATGCCAACTATTAACAACCTATTAGAAACACAAGACAGCCA
ATCAGAAATGTCACCAAATCGCCCGCCCTTCGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATA
CTATCACCCCCAAAAACG

>trans_s_6756 X04465|Marchantia polymorpha chloroplast genome DNA

GATCCAGGGACGGGAAGAGGGGGCGCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGAGACTCAAAATCTCGTGCT
ACCTCTATGTTCTTGATCTGAAGAGAGTTCCGAGGGTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAGGC
ACCCAGAGACGAGGAAGGGCGTA

>trans_s_6757 HQ615689|Litchi chinensis actin (ACT) mRNA, complete cds

AGAACACCCAGTTCTTCTCACTGAAGCTCCTCTCAATCCTAAAGCCAACAGAGAAAAGATGACACAGATCATG
TTTGAACTTTTAATGTACCTGCCATGTATGTTGCCATCCAGGCCGTTCTATCACTGTATGCTAGTGGTCGTACA
ACAGGTATTGTGCTCGGT

>trans_s_6758 Novel Gene

CTGATATTGTTCTTTATCAACTGGAACCTTGATCATCAGAGTTTCCTAGTTTACAGTTGAATTCAATAGGAGTATC
AGCAGGACGACATCCCAACATACCTGTCTCGGTTAGCAAATCAAGGGTGTATTTCTCTGAGACACGGAGATG
CCTTCTCGCAATATTCTT

>trans_s_6759 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete cds

GGACTTCAAGAGGAAGGTGTTTTCTGTAATTGACAAGTTTGCCGAGCGTGGACTTCGATCTTTGGCTGTTGCA
AGACAGGAAGTGCCTGAGAAGACCAAGGAAAGTCCCGGTGCTCCATGGCATAAACAACCAAAACAACGGGGA
AAAACGCTTCCTAGTGTGCGC

>trans_s_6760 GQ998536|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 photosystem I P700
apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

CTTGTCGCGCTTCACACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCTTTTCCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACCA
ACTGGGGCATTGGTCATGGTATAAAAGATATTTTAGAGGGCTCATAAAGGTCCACTTCAGTAAAGTAGTCATAT
GCTTGTCTCAAAGATTAA

>trans_s_6761 EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA,
complete cds

AGAAGTAAGTAGATGGATCGAAGGGATCCGATGGCGTTATCGGGGTCGCAATCGTTTTATATGCAGCGGGGA
ATTAGCAACTCTGGCTCTGGAACACAGGGTTTGC GTTCCTCTACTAACCCAAATGTGGCATTTCAAACCAACAC
ACCTCCGTTGTTACACAACA

>trans_s_6762 NM_129171|Arabidopsis thaliana DOT1 (DEFECTIVELY ORGANIZED TRIBUTARIES 1)
(DOT1) mRNA, complete cds

TAAACGAGACCTCAGCCAGCGAACTAGCTATGCGGAGGTACCCCTCCGCGGCCAGCTTCTTAGAGGGACTATC
CGGCTCTTAACCAAGGAAGTTTGAGGCAATAACAGGTCTGTGATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGCACGCGCG
CTACACTGATGTATTCAACG

>trans_s_6763 XM_002314132|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS20),
mRNA

TGAAGTTAGCCGAGAAAGTCTCAACATTGCATATTGTTGATTTTGGGATTTTGTATGGTCTCCAATGGCCCTGC
TTGATTCAACGGCTTTTCGCGTAGACCTGGTGGACCTCCGAACTTCGGATAACAGGGATCGAGCTTCCCCAGC
CAGGATTCCGCCCTGCTCT

>trans_s_6764 Novel Gene

GGGCTTGAGAGGCCCTGTTCTTTTTCCTTTAAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAAATTGGTTA
TTGCTCCTTTACTTTCAAGAACTCGTATACACTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAACCTCAACAG
CAGCTAGGTCTAGAGGGA

>trans_s_6765 DQ535800|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon ribulose-1,5-
bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

AATTCGTCTTGGTATTGGATTCGCTCTTCTCTTAGCATGAAATGAATTAGACTCCAACCTGGTAAAGAAACCCA
ATCTTGAGTGAAATAAATACCGCGGCTTCGGTCTTTTCAATAAAATCATCACGTAGTAAATCAACAAATCCTA
AAGTGATTTCTTTCCC

>trans_s_6766 X63606|N.tabacum atpC mRNA for gamma subunit of ATP synthase

TCGGAATCCTGAGAGGCAACTCCTTGCCGGTGGTGATCCTCTGAGCTCTACGGACTTTGGCAGCAGCAACAAG
CTTCATAGCTTCAGTGATCTTCTGGGTGTTCTTCACCGAATCGATACGGTCTCGGAGTTCCCGAAGACCGCAAT
GGATTGGAGAACTGACCA

>trans_s_6767 AF148448|Sporobolus stapfianus polyubiquitin mRNA, complete cds

GTATGCAAATTTTCGTTAAGACCCTGACGGGTAAAACCATCACCTCGAGGTCGAATCCTCTGATACCATCGAT
AACGTCAAGGCAAAGATCCAGGACAAGGAAGGAATCCCCCGGACCAGCAGCGTTTGATTTTCGCCGGAAAG
CAGCTCGAGGACGGCCGGG

>trans_s_6768 Novel Gene

CTTTAAAGAATTCCTAAGAATACGACATCCCCTTTATTGGGCTTTATAGTAATCCTTCAGTTTCTTCTTGGCAT
CAAAATAGATCAATGAAAGAGGAAAAAAGAATTTGAGAAAAGAGAAAGCCTATGATTATACTAAAGAGAAA
GCCTATGATTATACTGACG

>trans_s_6769 AY527172|Cucumeropsis mannii voucher PI532721 NADH dehydrogenase subunit F
(ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

CCTGTCCGGGCCCATAGAAAAGAATAAAGTAGCACTACCCCTATCTAGTAACGTTAACAACCAGAAGTGTA
AAGGCCTTCGACGGATGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAC
AACCAATGATTAAACAGGG

>trans_s_6770 NM_102494|Arabidopsis thaliana AHK3 (ARABIDOPSIS HISTIDINE KINASE 3);
cytokinin receptor/ osmosensor/ protein histidine kinase (AHK3) mRNA, complete cds

AGAAGATCTGGAGCCATCACCCACCCAAGACGAATATGCTCCTGTAATCTTTGCACAGGATACAATTTCTCATG
TCGTTTCTCTTGATATGCTGTCTGGAGTGGAAGACCGTAAGAATGTATTACGTGCTAGAGCATCGGGAAAGGG
AGTCTTAACTCGAGGTAA

>trans_s_6771 FJ358540|Gossypium hirsutum bHLH domain protein (bHLH1) mRNA, complete cds

TCGATGTGGATCAGTGAGCCATCGAGTACAATCGAGATGAAGGATTCAATTACCACCACCGTCCCTTCCAGCA
ACGTTCCGGCAAAGCCAATCCGATCCGAAAATCCCAGTTCAAGTAGCTTAACGGAAAATATGAGCACGATTGT
TGTTAGGGTAGTATTTGTC

>trans_s_6772 Novel Gene

CTCGTTGAATACATCAGTGTAGCGCGCTGCGGCCAGAACATCTAAGGGCATCACAGACCTGTTATTGCCTC
AAAGGGAGAACTCTAAGAGCCGGATAGTCCCTCTAAGAAGCTGGCCGCGGAGGGGTACCTCCGCATAGCTA
GTTAGCAGGCTGAGGTCTCGT

>trans_s_6773 DQ872208|Arabidopsis halleri subsp. halleri isolate Hal-12-ge1 satellite sequence

GTGCGGGCCAGCATGAGTATTGGATAGCGATGATGAAATATCGCAACACTGTGAAGACTTGGGTCTCTACA
ACCGTCTGATCTACGGACGAATATACCAACGCCACGGAGCTCTAGCGATGATGAAGGCGATACCTCAGTGA
GGAGTCCAACTCTCTGTGGT

>trans_s_6774 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTCTAAGGAACTCGGCAGAATAGCCCTTCCATTAGCAGCAC
CTTAGGATGGCATAGGGAAAAAGAAAAGGGCGAGGGTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAGGC
ACCCAGAGACGAGGAAGGGCG

>trans_s_6775 Novel Gene

GTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAATCCCAAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCCGAG
CGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCCCACAA
CAGGGGTAGACACACGCCT

>trans_s_6776 AF389260|Nepenthes sp. Nickrent 3056 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTCAAGGAATTTAAACCCGATT
CCTTTCGAAGTTCGCGCTGTCGAGAGTCTCTGCCAAAGGGGGCAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGC
AAGTGCCGTTACATGGAAC

>trans_s_6777 NM_001066612|Oryza sativa Japonica Group Os07g0575100 (Os07g0575100)
mRNA, complete cds

AGGATAGGATAGCCCCACCCCTCCACGAGTACAGGCACATGCTGCTCAGCAGTTCTCAATTCAGCGAGAAT
TGCACCCAGATATTTTAACACCTTACTTGGATGGAATTGTGAGCAAGCTCCTTGTACTTCTGCAGAATGGAAA
GCAGATGGTGCAGTCTTT

>trans_s_6778 GQ435577|Luffa aegyptiaca voucher PS0469MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial cds;
chloroplast

GGATTTAAATAAAAAAATACTATAAAAAATAACTTTGAGCATATATTAACATATATCTTTTTCGGTCATTTC
ATTGTCATTACAATTCAGTTAATAACCTTATTAATCAATGAAACCGTAGGACTCTATGTTTCGTCAGACCCTTTA
CGTCGCTGGCAGGGG

>trans_s_6779 NM_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

CACGCTGCGGCTGACCAGCGTCACCTCAGGATTTGAGTTCATCATGATTGTCTCATACCCAGCATCCTGTAGAG
CAAACGAAGTATGACAGCAACAGTAGTCAAATTCATACCCTGACCAATACGGTTCGGACCACCACCCAATAT
CAAGACCTTTTTCTTTTG

>trans_s_6780 XM_002873259|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tudor domain-containing protein,
mRNA

AGGTTAAAGTCCAAATGGAGTATTCTAGGAAAGTCAGCATGGTGGATGGACCTGCAACTGCTCCTCCAGATTC
TAGAGTGATGGATTTTGGATCTGTCTCCTATTGTCTTCTACTAAGGGTGAGGGCGAGGACACTTCTGCTAAA
AACAGCAGTGACCACACCT

>trans_s_6781 AB063192|Cucumis melo CmEIL2 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

AGTGGTGGCCTGAGCTAGGACTACCTAAGGACCAGGGGCCACCTCCTTACAAGAAGCCCCATGATTTGAAGA
AGGCTTGGAAGTCAGCGTTCTCACTGCTGTGATTAAGCATATGTCACCTGATATTGCCAAGATTCGCAAGCTT
GTTCCGACAGTCCAAGTTGG

>trans_s_6782 GU227355|Punica granatum RNA polymerase alpha subunit (rpoA) gene, complete cds; chloroplast

GTGTCGGGTCGGGTAGGGTATCTGGATTATCGGGATTAATGGCACCGAGGGAGAAGGCAGTTGCCGTCAAG
CCTAACGTCGGTAACGTGAAGGAAGTGACCCCTTCTGCCGGCGATGCGCTCCTGGCCTTTACTGGCCGGGTC
GTGCCTCCGGCGCTGTGCAGG

>trans_s_6783 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

CGAAAATATAGAGTGGTCTCTCTCTATGCACGATGCACCCCGGGCTACTCTTATTATCTCCATGACGGTGATAG
CCCCATTGCTCGTGCTAGATTCATGGGGCAATTGTCACTGCTTATGGACCCGAACCTGGGTGATCTATCCATGA
CCAGGATGAAGCTTGGG

>trans_s_6784 DQ268882|Haplomitrium hookeri 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCTGAGCCGACATTTTGGCACATTCGTCAACGCAACAACAACCCATGTAGAAAAGAGGGACGCACAGAAGCG
CAAATTATATTGTTGCCGCTCATGCCGAAATGTTTCGTCATCATCAGCCATCGGAGACCTAGGGGCTCTCCCC
GTTTCGCTCGCCGTTACTGG

>trans_s_6785 Novel Gene

CGAGCAGGTTCCAGAAACCATTGGCTCAGAAGGTCCAATAATTGAACTACAACCTCAGACGAACCATTGAA
AGGAATCAATCTGAAGGTGGCTACGAACAACCTGAGCAGACTTCCAGCAAGCCTAGTTCTACCGAGTTCTCAA
CGTCGAGGTCGTTGTAGTT

>trans_s_6786 GQ998324|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 photosystem II CP43 chlorophyll apoprotein (psbC) gene, complete cds; chloroplast

GAGGGAAGCGGATGGGGGCCGCGATGTGCCCCAGTCGGATGTGGAACAACAGGTTCTGGGTTATTCTAAGG
ATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAGTTGGGGGACATGTATGGTTAGGTTCCAGGGGTATACT
TGGTGGAATTTGGCATATCTT

>trans_s_6787 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete cds

AAAGGTTCTCACTGCCATTGGAACTTTTGTATTTGCTCCATTGCCATTGGTATGTTGATTGAGATCCTCGTTAT
GTACCCGATCCAACACCGTGAATATAGAGATGGTATCGACAACCTTTTGGTTCTTTGATTGGAGGCAGAGGT
TAACTCGCACCTACAC

>trans_s_6788 EU009622|Vitis vinifera retrotransposon V16, complete sequence

ACAGTAAACTAACCCTAGACAACTACTACATGAGGTATCATCATCAAGGATGTAAAGTCCCCTGCTATGCCG
GGCAGTGCCAATCGTCTCCCCGACTTCAAGTCCTGAAAGCAAACAGACTCAGGTAAGAAAGTAGCTTTATAG
TGCAGAGACACCCACATC

>trans_s_6789 NM_113232|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related (AT3G23300) mRNA, complete cds

GATGTCGTATTGATTGGCTTCAAAGAGACGGAATTCTTCTTCTTGAGCTAGATAGATTGCTTAGACCTGGTGGT
TATTTTGCTTATTCATCCCCTGAAGCTTATGCACAGGATGAGGAGGATCTGAGAGCCCAAGAGAGGGGTCATT
GACGATGTCCCCGCTCT

>trans_s_6790 NM_001067097|Oryza sativa Japonica Group Os07g0665000 (Os07g0665000)
mRNA, complete cds

AGCTTGAACCTTTGAATAAGATCTCAACAATGTCGAAACCAACAAGGAAGCTGCAGGGGAAGGTGGCTCTCA
TAACTGGAGCTGCCAGCGGTATCGGGGAAGAGACGGCAAAGCTATTTGTAGCCAATGGTGCTTTTGTGTCAT
AGCTGACAGACACGATGAG

>trans_s_6791 DQ887167|Merxmuellera dura internal transcribed spacer 1, partial sequence; and
5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence

ATGTCCCTGTCAGCCCCGTAAGCATAAAGTATCAGTCTCTGGCAACGGATATCTAGGCTCTCGCATCGATGA
AGAACGTAGCAAAATGCGATAAGGCCACACTTAACGTCCCGGACTGTCCGACGATCCGAGGGTCCATACACG
GTATAAAAGGTTGCGGAAC

>trans_s_6792 EU563917|Oryza sativa Japonica Group Pri-miR1850_1, complete sequence

CTTAGGAAGCCGTCAGTAGGGACTCAGAATATGGGTGGTGATATATCAGGATGGTCGTCATTAACGGGACA
CACTAACTGTACGACGAACGAGACCTTTAGATACAATCGTCACCGTCCCACTCCTGGTGGTGCCCTTCGTCAA
TTCCTTTAAGTTTCAGCC

>trans_s_6793 U42787|Nepenthes sp. Nickrent 3056 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCAAAGGGTTCTCGATGTCTTACACACAATTTTCTTATCTATACCCCTCCATGTTTGTGTTTCGTCAGGCCCTTTCT
CAGGCAGGCCTGGCCCTACAGTTGTTTCGTCTTTCATAAATCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAAT
GCCCCCGACTGTCC

>trans_s_6794 AM711639|Cuscuta gronovii complete chloroplast genome

CACAGGTGGGTAGGTAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGAACGATTGCGAATGGCAGTGATGAGCTTATGAGA
TTGTCATGCACCACTCTGATGATATGTGCTGATAAGTTTCTCTAAACCCATTGATCTGAGCCTCTCTCATGAGA
GACCTAGAGGACCGAGTTT

>trans_s_6795 GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal
RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

AAAAAAGGGGGCATACCTATCTTGTTGGCGTTTGCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACA
ACTGCCCTATACTTCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACACTCCGATC
CCGAAGGCCAACAGA

>trans_s_6796 D67088|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 2 complete
cds

CCTTCTATTTAGCATGTGCTGCAGAAGCGGATGTCATCTTCACCTGCACTGCTTCAAAAACACCCTTATTCACGA
AAGAACATGTAACGATGCTCCCCCTGCAGGTACAGAAACAGGAAGATGTTTATTTGTCGATATATCAGTTCC
GAGAGGTGGGTCTTTG

>trans_s_6797 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TTGCAACTCCCCGAAGCATTTCGTCGCTTACTACGCCCTTCCTCGTCTCTGGGTGCCTAGGTATCCACCGTAAG
CCTTTCTTCGTTTGAACCTCGCTCTCGTGAAGTGACCACTAGACGATGGGGGCAGAAATGTAAAGAACGAGAG
TTGTTGAAACTAGCATA

>trans_s_6798 Novel Gene

AGATTGAAGGGCAAGGTGGATGCTGAAGATGGAGAATTGTTAATCAAATTGGAACCTGTTTCTTTTGCTAACA
ACAAAGCGGATGAATTTACTGCTTCAGCTTTAGATGACAAAACCTTGCATGAAAGTTCACAGGTATCAGCAAC
AGATGTTGTAGGTAATCC

>trans_s_6799 AB252653|Platycodon grandiflorus PgCP1 mRNA for cysteine proteinase, complete cds

AATTGCGTCGCAGAAGACGTTTTTAGCGATGATGAATTATCGCAACTGACACTTCTGAACCCAGAGAGTGTTG
GCAGACTAGGCATTTCATCCGCGACAACCATAACATTCTATCTAGCGATGATGAAGGCGATACCTCAGTGAGGA
GTCCAAACTCTCTGTGGT

>trans_s_6800 Novel Gene

CCGCCGGGCGGCGCAGAACGCACTAATCCGCGACCAACAAGTTTTCCGAAACCAAACCTGAAGAGAATTGTTA
CTTTACAAAATGCTTGCTGAAAATCATAGGCTTTCTCCTTTCAGTTTCTCGTATTCAGTCTCAGAGCGATAGGG
AGGAAGGGCTCTAGGAA

>trans_s_6801 EU002490|Coriaria nepalensis RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds; chloroplast

CCCCAATAATAGCCGAGCCATTGTCTAGCGAAGAAGGTTTCCACGCCCTGTTTCGTTCCGCTCGTAACAACCCA
ATGAGTTCTCCAGGTAAAAAACATTAGACATTCCATCTTCTGAAACCAAGACTTTTGATGTTATTTGACGTAC
ATATTATTCGATATGT

>trans_s_6802 EU443991|Orthotrichum rupestre internal transcribed spacer 1 and 5.8S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCTCCTGAAGAAACAGCGTTTCGCCCCGTCTTTTATCGTCTTCAACCTCAACCCTCCATCGAAAACCTTTCTC
CGAGTCAGAGATCGGGTGTTTACACTGTTTGTATTTTCTCCCTGTTCTTGGGGCTTGGGTGGGGGGGATAAT
TCAAAGAAAGCGGTA

>trans_s_6803 GQ998820|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum accession no. 581-4C cytochrome b6/f complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

GGTGAGTGATTCAATGTAAGAAAAAATTTAGTGGATTCCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAA
TTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTGATATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAG
GATTCTACCAATCGCTCG

>trans_s_6804 NM_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

GATAAAGAAAGCTGAAGATAGGGAGTTGTTTAAACAGGCTATGAAGAATATTGGGATTAAGACACCACCTTC
CGGGATTGGGACTACGCTTGAGGAATGTATTGAAATTGCTGGTGAGATTGGAGAATCCCTTTGATCATTAGA
CCTGCTTTTCAACTTAAAT

>trans_s_6805 XM_001700987|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GTGACTCTCGCAGGCGAAGTCTGCCTGCCTTGTCGAGAGAATCTGAGGATAGGCTTGATTTTCAGAATGTAGA
TGTATCAAAGATGGAACCTAACCTAGTTTGAATTGCTAATAACCTTTCGCTGATAAATGGAGTCTTTATTAG
GGGCGTAACACCCGACC

>trans_s_6806 AF104392|Cucumis sativus extensin-like protein (EXTL) mRNA, partial cds

AACAACAAAAAAGGGTTGATTGATGTGGTATGGAAATGGAGTCGACATGAGAGGATGTCGAGTCAAATCTT
TGTCTCTCTTTTATTTTTCGATTTATTTTATTTTATTGTATGGAATTATGGCTGATGTTGTAAACCAAATAAA
AATTTTAACACTATCA

>trans_s_6807 AJ829632|Staurostrum polymorphum partial 18S rRNA gene, internal transcribed
spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, strain SVCK119

CTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGATCACCCCTCTCTCGGCGGCTTGGATCGGAGTAAC
TACTCTGAGAAGACATGGATTTTCAAGAGGGAGCTTTTATCCTCATTGTAACCCGACGAATGCCCCGACT
GTCCCTGTTAATCATTACT

>trans_s_6808 NM_001055312|Oryza sativa Japonica Group Os03g0119100 (Os03g0119100)
mRNA, partial cds

CACCCACCGGTTTATTAAGAAGAAAAAATGAAAATGCTAACAAATCCCACAAATATCACTCACTCAAGGATGC
TCTCAAGAGATGGAAATGGTGAAGAAATAAAATTAATAAAGAATACACAAATGAGTATGGAGCTCATAATAAT
CTACAGCAAATTCAGTAC

>trans_s_6809 EF675631|Robinia pseudoacacia Na⁺/H⁺ transporter (NHX1) mRNA, complete cds

AATGACTCCCATTTTGAGTTATGTTGTGTCTAAATGGCAAGCGTTGTCCACTTCTGATCATGCTTCTGTTGTTTC
CATTAACTTGTTTGTGGCACTTCTCTGTGCTTGTATTGTCATTGGTCATCTTCTGAGGAGACCCGGTGGAGTCC
GTCTCTTGCTGTCA

>trans_s_6810 M88258|Arabidopsis thaliana

TCAATTGAATTAATGTTATTAGCTGTGAATTTGAACTTTTTGGTATTTTCCGTTTCTTTGGATGATATGATGGGT
CAATTATTTGCTTTATTGGTTCTAACGGTGGCAGCTGCGGAATCCGCTATTGGGTTAGCCATTTTCGTTATATG
AAAGGCTCAGGCTCC

>trans_s_6811 NM_001160916|Arabidopsis thaliana RCD1 (RADICAL-INDUCED CELL DEATH1);
protein binding (RCD1) mRNA, complete cds

CTAGATTTTTGCATATGTTTTCTTGGACTTAAATACAGGGTTGCAACAACCTCTTGCATGGATTGATGCAGC
AGGGCGCTGCTTCTTCTGAGATTATGGTGCAGATACAAGTGAATGCTGCCATTCCAATAATTTTGGCCCGC
GGATTGGTGTCCACAC

>trans_s_6812 M81725|*Oenothera berteriana* NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
1-2

GAAAATTCTGCAGTTTCTAATGATGCTGCCATCACATAAAAACATAAACTTTGAAGCTCAATAGCTAAATACAT
GGAAATTAAATCATAAGCCGAGATCATAAAGAGCATACTGCAAGTAGAAAGTAGAATTAATACAATGAATTC
AAAAGCATCAAACCTCTC

>trans_s_6813 HQ340170|*Oryza coarctata* ubiquitin 2 gene, partial cds

AAGGCATTCCCCCAGACCAACAGCGTCTTATCTTCGCTGGAAAGCAACTCGAGGATGGCCGCACTTTGGCCGA
CTACAACATCCAGAAGGAGTCCACCCTCCACCTGTCTCCGTCTTCGTGGTGGCATGCAGATTTTCGTGAAGT
GGGACTGGCCTTTCACC

>trans_s_6814 AY129481|*Arabidopsis thaliana* At1g18740/F6A14_15 mRNA, complete cds

CAGAAGCAGGTCACTCAACACTTCCAGGATTTGTCGTCGGCTTCTTCTGATGATATTTTGTGCTCTCCTGGATT
AGGAAGCTTTTGGATGCTTTCATTGCTGTCAGGAGGAATTTAAGATTATTTTGTGTTGGGCATAAGGCGCAAA
TTTGCGAGTTCTTAAT

>trans_s_6815 XM_002875876|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* glutamate-1-semialdehyde 2,1-
aminomutase 2 (GSA2), mRNA

AACAATGAAGAAGGGAACCGCTTTGGCGCCCCATGCCTTTTGGAAAATGTTTTAGCTGAGATGGTGATATCT
GCTGTTCCAAGTATAGAAATGGTTCGGTTTGTTAACTCTGGTACAGAAGCATGCATGGGTGTTCTCCGGCTTG
CGATGTAGGGGCAGTTAC

>trans_s_6816 EU922549|*Pelargonium cotyledonis* photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene,
complete cds; chloroplast

CGCTATACTTCCCCTCCGGTACCGCTAGCCCGTCGTTGTGTACCGCGATTGGCCAACGCTCAAAAATTGGCAGT
TCGAGCCAAAGAATATCCCCTGCCTCCCGGAATACGCGTTTGACCAATTCAAAGTGAAAAATGGGGTTGCTCC
CTCAGCAAAACTAGGAT

>trans_s_6817 AB189069|*Silene latifolia* chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

CAGAGTTCTGATTCATCGGTCGAGCTATGCGGAGGTACCCCTCCGCGGCCAGCTTCTTAGAGGGACTATGGCC
GAGAATCTCAAGGAAGTTTGAGGCAATAACAGGTCTGTGATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGCACGCGCGCT
AACTGATGTATTCAATCT

>trans_s_6818 AY057490|*Arabidopsis thaliana* At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

TGACAAGATTGCTGAAAGCCAAAAGGTCGAAGAAGCACTTAGAACTACAGCAACTGAGCTTTCTGCTGTCCA
GGGAGATCTAGAGCTTTCAAGAACTCAAGTGCTAGACTTGGAGAAGAACTTTCTACAAAGGAAGGTTTAGT
TGAAGAATTGACTCAGGAA

>trans_s_6819 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGGATTTCCTTTTGTAAAGAAGACACGCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGAGACTCAAAATCTCGTGC
TAAAGAGCGTGGAGGTTGAGTCCTCTTCAAGGAAGGGTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAG
GCACCCAGAGACGAGGAAG

>trans_s_6820 AF260734|Cucurbita pepo chloroplast NADP-dependent glyceraldehyde 3-
phosphate dehydrogenase B subunit (GapB) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

CGAGGAATTCGGCATTGTGAAGGGAACCATGACAACAACCTCACTCTACACTGGAGACCAGAGACTTTTGGAG
TGCATCGACCGTGACTTGAGACGAGCCAGGGCTGCAGCTTTGAACATTGTCCCTACAAGCACTGGTGCAGTG
GGAATCACACTGTCACAC

>trans_s_6821 AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

CATGCAAAGAAATAGCCCACTTGTCTCGAGAAGAGATGGGAAACATGCTCAATATCATTTGATTGAATAGT
TGACCCAGCTCCTTGTTGTTGAAGAAGCCCTCCACTTCAATTGGTATTTTTTACGAAAAGCAAACACAGTGG
CGGACCCCACTCATTG

>trans_s_6822 AL161509|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 21

GACTCAGGTTGTGGACTTCAATTGTAAAGATTCGTGGGGGATTTAGGTGTCTTGTGGCGTTTCGCAAGAGCG
TTTTTGGAGTAATATTGTCATATCTGACTAACGATACCAAATACCAAATTTATTTTTGCGGGTATTCAGCAAAC
TACTGGCTTAATTG

>trans_s_6823 XM_002322091|Populus trichocarpa autoinhibited H⁺ ATPase, mRNA

AAAACCAACTTTTTCCCTCGAATCTTTGGAGTACCAACCCTTGAAAAACAGCTCATGATGATTTCCGGAAGCT
AGCCTCAGCTATATATCTACAAGTGAGCACTATCAGCCAGGCTCTCATTTTTGTTACGCGATCTCGAAGTTGGT
CCTATGTGCGAGCGTC

>trans_s_6824 XM_001695558|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AACTGCTGCTGTTTCCCGTGGTTAGCGATGATGAAGGCGATACCATGACACTTCTGAACCCAGAGAGTGTTGG
CAGACTAGATGCCTGCTTATAGTGGTTGCGGTGCCTCGTCTAGCGATGATGAAGGCGATACCTCAGTGAGGA
GTCCAAACTCTCTGTGGT

>trans_s_6825 AY365248|Cucumis sativus 60S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

TAGCAAAACAACTTGAGTTGGTGTCTTCATCCAAGGATTTTATTCGAGTTCTGCTATTTATTATTTAAGTTTCTT
TTGTTGGTCTAGACTTTTTTTCCCGTCTTTGGAGTGTTAAGTTACTTTAGCTAATGATGCTTTTGCTCATTTTCGAC
CTGTACTACCC

>trans_s_6826 GQ998867|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C 5S ribosomal RNA (rrn5) gene, complete sequence; chloroplast

GGGGAGCACACATAAAAAACACCAGCATAGTATAATCAGCGTCGATCATTTGGGGAAAGTGTCATCAGTTCCAT
TGTTTAACCTCGGAAGCGCGGATAAATATATAATCATAGCCATCCGCAGGACCTCCCCTACAGTATCGTCACCG
CAGTAGAGTTTAACCA

>trans_s_6827 AB082376|Pisum sativum mRNA for elongation factor EF-2, partial cds

ACCTCTATGGCCACACCATGAGGGAGGTGGTGTGTCATGAAGTCTGATGAGAAGGATCTGATGGGCAAAC
CATTGATGAAGCGGGTCATGCAAACATGGCTACCAGCAAGTACTGCTCTCTTGAGGGCAGCAGCTCCCTGCTC
CTTGCTTTTCTTTGGAAT

>trans_s_6828 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CCACCTCTCTTAACCCAACTAGGACCATAGGTCCTGAATTTCTACGCGAATCAAGATCGAGAAAAGGAAGTTTT
CTAATCATTAACTCAAACCTATTGTGCAACCCCACTCAGCGTAGCGCAAGAACGTCCGCAATAAGGTAAATTAA
TCTGGTCTTTCACAA

>trans_s_6829 DQ251455|Cucurbita pepo patellin 1 (PATL1) mRNA, complete cds

CTCTCCCCGCCAATCTAGCTGCAACCCCAAATGATCACAACAACCAAGCAAACATGGAAAGAAAGAAGGCATA
CAAAAGAAATCCAACCTCCACCCACCAATCCTGTTTGTAAAGACTATCCAAATTGGAGAAATAAGATTAAATTT
TTCAACAAATGGAACA

>trans_s_6830 DQ629287|Tmesipteris norfolkensis large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

GACAAGGAAATTACTATCTAAACGGATAAAAAGTTACTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCAGAGATCTGT
GCTAGTAACCCTGTTTCGCCATCGACAATGAGAGCTAAGTGGAAGAAGAAGCGTATGAGGAGGCTCAAGAGA
AAGCAAGGGCTTTCCAACA

>trans_s_6831 Y15108|Glycine max tufB2 gene

CTTGTGAACAAGGAATGCGGTTTGCTATCAGAGAAGGTGGAAAGACTGTTGGTGCTGGTGTGATTCAATCAA
TTATCGAGTGAGTGATAGGAAGACACAACCTAATTGTGGAAACCAATCGAAATGTTCTTTACTCCTTTTAAATT
TAGAGATTCCCCAGTGG

>trans_s_6832 NM_001060659|Oryza sativa Japonica Group Os04g0657600 (Os04g0657600)
mRNA, complete cds

GCGCAAGCTTTTATATCTCACCAGAGAGAGCCTTCCAGATTACTCCCGCTGGAACTCAACGGGTCGTTGGTTC
GTGGGATGGGTGAGGGCATAGAGTAATACACAGGTCTTTGCGACACAGTTAGCTTATATAACAAGCTTTCTG
TTACTGAATCCCTGAGG

>trans_s_6833 X73670|D.carota chloroplast gene for tRNA-Val, 16S rRNA and tRNA-Ile (exon 1)

ACCAGCTTCATTGACGACTCCCCATGGCAGTGATGAGCTTATGAGATTGTCATGCACCACTCTGATGATATGTG
CTGATAAGTTTCTCTAAAAGAGGGGGGGGTCTCTCCTCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGC
TGGCGGCATGAGGCAC

>trans_s_6834 X51690|V.faba mitochondrion coxIII gene

TCTTTCTATCTGACAGGACTCAAAAATAGGAAGGGATGGTCTTTTCATTGCATTGATAGAAGTCTAACTAGAAA
AAGATCTCTCTGAAGGTTTCTGAAAACAGAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATC
ACTGCACTTCCAATT

>trans_s_6835 AF260733|Cucurbita pepo chloroplast NADP-dependent glyceraldehyde 3-phosphate dehydrogenase A subunit (GapA) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

AGCAGGCACTCCTCCGAGAACCTGGACAACAAGGTCGACAACAGAAACATTTGGAGTGGGCACACGAAGTGC
AATCCCATTGAGCTTTCTTTAAGAGAAGGGAGGACTAAGGCAACAGCTAACCGACGAGAGTGTGATGTAGG
AACAATGTTGAGTGCAGCA

>trans_s_6836 Novel Gene

AAGTAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTGTCTGTTGGAGCGAATAGGATGAGATTTAATCTTTACTAAAAAGA
GGAAAAGACAGAGAAGGGAAATAGAATGTTTCGGACAAGGTCTGACGACCCTAAGGGAGTCAGATATTCAC
AGGCCAGCGGGATGCGCTG

>trans_s_6837 XM_003078842|Ostreococcus tauri acyl desaturase (ISS) (Ot04g03720) mRNA,
complete cds

TCAGAAGAAAACATTTGAAGTACCATTTGGGCAGCTTGCATCTCAGCTCAAACATTCTTTTCAAGGTATCTTTA
AGCCTGTGTAAGAAGAAGAAACATAGAAGGAAAATGCGCCAATCTGCCGTCTCCAGATGTCCCACTGGGGAA
AGTTTGTTCAGTAGGAG

>trans_s_6838 EU385344|Dicoma capensis maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

CAAGAAACCCCCACAATTTTTTTTATTCTTTTTTCGACCCTATTTTCGGTAATTGTCCATACCGCATTACTAGTCAT
AGTATGGATATTATATTGTCAGGAAGACTATTTTACCTCTTCTTTATTTCTTTGTTTTTTACAATACAAAAACCTC
GCCATAATAAT

>trans_s_6839 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

GAAGAAGGATCGGACAGGTTGGAGTTCTTACCTTCTTCGGACTCTATGGACCAAGATCTGCTTTTATCGCGGG
GTAGAGCAGCTTGGTAGCTCGCAAGGCTCATAACCTTGAAGTCACGGGTTCAAATCCTGTCTCCGCAACCACC
GCTTTGCCGTACACCAG

>trans_s_6840 XM_002863257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ORF64c, mRNA

ACTATTTAAACCACCACACCTGTCCTGTCATCAGGTCACCAACTTCCTTGACCTTCCGGCACTGGGCAGGCGTC
AGCCCCATACATGGTCTTACGACTTTGCGGAGACCTGTGTTTTTGGTAAACAGTCGCCCGGGCCTGGTCACT
GCGACCCCCTTTGTG

>trans_s_6841 GQ997238|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 cytochrome f protein
(petA) gene, complete cds; chloroplast

GTCCCTGGTCAGAAATATAGTGAAATCACCTTTCCTATTCTTTCCCCGGACCCTGCGACTAAGAAAGATGTTCA
CTTCTTAAATATCCCATATACGTAGGCGGGAACAGGGGAAGGGGTCAGATTTATCCCGACCCCTCATTCTCA
TTATTATTACAAATA

>trans_s_6842 XM_001697752|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CCACTCTAGATTGGGGAGTGGAAGTTTAGGGATCAGATTGGAAGAGATGTGAGTGCCCAATTGTCGTAACCA
GGCCAACCCCGTCACACCAACAGCGTAATATATAGCGAGAGCCAACCACTCATCATATCCCGTTTCTGCCTGAA
GGATCTTGCAGGGACC

>trans_s_6843 XM_003082087|Ostreococcus tauri FKBP-type peptidyl-prolyl cis-trans isomerase (ISS) (Ot11g03330) mRNA, complete cds

AATAGACTGGGGGAGCTATTCCGATCAATCGATCGAGAGGAGCGAAGCAGCTTTACCGTGTTTACGAGAAAG
AAATGAAACTACCACGGACCGGAACATAATCAGACTGAGACTTGAATTCGATCTTCATTCTCCCACTACGCGG
TCTTCTCGCGGGCGCGT

>trans_s_6844 AJ969540|Uncultured Trebouxia photobiont 18S rRNA gene (partial), ITS1, 5.8S
rRNA gene and ITS2, isolate L-101

ACGTGATGGGGGATAGATCATTGCATACACCAACTCCTGTGCTCCTTAAGGATCATTGCGCGAGTCATCAGCT
CGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACAGCCCGGAGCTCCTACCGATGTCCGTTGAATTGTCCTGTGG
ATTCGATATTCGACA

>trans_s_6845 L03186|Gossypium hirsutum vacuolar H⁺-ATPase catalytic subunit mRNA, complete
cds

ATAGGCGCGGACCGGGCGCTGCAATATAGGTAACCTTTCCCATAGCATCAGGAGGAAGTGCAATGCGGTGCT
CCATTAGACTATTCTCGAAGACAGTAGCATACAAGTCTCCACCTGTCAATAAGTCGCCCTCACCTATCTTTTGG
GTTGAAAATCCCAGA

>trans_s_6846 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GAGATTCAACAACTAAAAGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAG
AATCAGACCGATTCCCTAAATGCTTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGGCTATTACGGAACGTGAGAAGCAG
ATGAACGGCTGCCCCG

>trans_s_6847 NM_114473|Arabidopsis thaliana RPS15AD (ribosomal protein S15A D); structural
constituent of ribosome (RPS15AD) mRNA, complete cds

TCTGGAAAAATTGTTGTTGAACTCAACGGCAGGCTGAACAAATGTGGGGTTATTAGTCCTCGTTTTGATGTGG
GTGTTAAGGAAATTGAAGGTTGGACTGCTAGGTTGCTACCCTCTAGACAGTTTGGATTCAATTGTGTTGACTAC
ACTCACGAAGTAGTAC

>trans_s_6848 XM_002318483|Populus trichocarpa tubulin beta chain (TUB11), mRNA

AAAAACCACGTGTTGTCGGGTATGTTGGCTCAAACAGGGATTCCTCTTCCTCATCTTCATACTCTTCATCCGCA
GTCGCATCCTGGTACTGCTGATACTCGGCAACCAGATCATTCATATTACTCTCAGCCTCGGTGAACTCCATTTC
GTCCATTCCTCA

>trans_s_6849 EF590945|Lagenaria siceraria voucher USDA PI271353 NADH dehydrogenase
subunit J (ndhJ) gene, partial cds; chloroplast

ACATAATAGATGCAAGGGTTACACGAATACTATGTAGCACCAGGCGGACTGTTAGCTAGTGTGTATCATCTTA
CGAGAATCGAGTATGGTATAGATCAACCGGAAGAGGTATGCATAAAAGTATTGCCGCAAGGATAAATCCTT
TTAAGGCAAGTGTGGA

>trans_s_6850 U42519|Chrysobalanus icaco 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGTGGCGTTAAATCTCCTAGACTCACCAAATTGGAATGAGTACAATCTAAATCCCTTAACGAGGATCAATTG
GAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAA
AAGCTCGTAGTTGGAC

>trans_s_6851 X04693|Spinach gene for plastocyanin

CGTCACCTCCGCCGCCGTCGCTATCCCTTCCTTCACCGGCCTCAAATCCTCCTCCTCCTCAAACCCACCTCTGCC
ATCCGCCTCCCTTCCCCTGCATCCCCAAAGCTTAGCGTCAGAGCCTCTCTTAAAGACGTCGGTGTAGCCGAGAG
AATACCTAGGGG

>trans_s_6852 AF216497|Gossypium hirsutum P-glycoprotein (CMDR1) mRNA, complete cds

AGGAGGAAGTGGATCAGGAAAGAGCACGGTGATATCTTTGATCGAACGATTCTATGAACCCCTTTCTGGAGA
GATTCTATTAGATGGTCATAACATCAAGGAGCTGGACCTTAAGTGGTTTAGGCAACAAATTGTTTTGGTCAAT
CAAGGGTCCGGGAGAA

>trans_s_6853 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)
gene, partial sequence; chloroplast

AATCAGAGATTACCATTTCGCGAGATTAGAGATACGATCGTCCTCCATAGGATAATTCCACATACTTCAAAGTAT
AAAATAAGATTAAGCAGAAGCAGGACGATAGAGATTCCATTTAACTTAAGTTGATCTAGGTCAGAAGCATACC
TACGTCAGGATAACC

>trans_s_6854 AY526902|Fagus grandifolia ribosomal protein L16 (rpl16) gene, exon 2 and partial
cds; chloroplast

TTAGAAATATAATAAAATGGAAACGTTTCGCGGGCGAATATTTACTCTTTTTATATATGTTTTGCAAGAGCCCCAA
GACCGATTTCAGGTCTACCTCTCATAATAAATGGATTGGTCTTGGGTTCTTCGCCATCCCACCCAATGAAT
TATTAGGATTCGTT

>trans_s_6855 X16858|Spinach psaH mRNA for photosystem I reaction centre subunit VI

TATGGATCTGATGCTCCTTCACCATACAATTCTCTTCAGAGCAAATCTTTGAGACCTTTGCTGCTCCATTACC
AAGAGAGGATTGTTGCTCAAGTTCTTGCTACTAGGTGGTGGTGTCTACTTAGCTTATATGTCACGATGACGGG
GTCTGTCGTGGAGG

>trans_s_6856 BT010388|Arabidopsis thaliana At3g03960 mRNA, complete cds

AACAGTTGTTTTACGAGGAAGTACTGATAGCATACTGGATGATCTTGAGCGGGCAGTTGATGATGGAGTTAAT
ACATACAAAGCAATGGCGAAGGATAGCCGAACAGTACCTGGAGCTGCTGCTACTGATTAACCAACCGATCCC
TCTCGGGAAGACCCCT

>trans_s_6857 NM_001067399|Oryza sativa Japonica Group Os08g0117800 (Os08g0117800)
mRNA, complete cds

GCTGTCGCGCGGTTATCCATAGTTGGACCAGAACGTACTTCAAGATTTTCAAGAAGCCTATGTTGGTGTCTT
CACCAGGTGACTTTAGACGATGTAACCTCTCTGCAACATCTCTAGTGTATGGCAGAGTCAAGGAATACCAA
AAAGTTCAACCACTT

>trans_s_6858 AM116756|Coffea arabica mRNA for alpha galactosidase precursor (gal2 gene)

GGCTTGGGTGGTTGTTAATAAGGTTCTGAGGAGGATTAAGAAGCCGGTGGTGGTTTCTGGATGTGACCACTTT
GTCCCAGTATCGGAAGGACGGTCATCCGTCGGCGTACAGCGGGGAACACTCCGGTACCGATTGTAGTCATTG
GTGTCTTCCACCCACATT

>trans_s_6859 EF422923|Danthonia californica ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds;
ribosomal protein S7 (rps7) and NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) genes, complete cds; and
tRNA-Leu (trnL) gene, partial sequence; plastid

ATTGAGGACCTTTTTGCAAATCTTTGACTTTATTCATTGATTCACTCTCGTCTCAAATGCCTAATTTTTTCATAT
GGATTTTCGATCATTCTTTGATAAGGAATTCGCTTCGCCCTCTCCTTCTAACCTCAGTCGAGTGATCCTATTTT
CTCTTCGCCC

>trans_s_6860 FJ473310|Altensteinia virescens voucher ABA 2747 NY internal transcribed spacer 1,
partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2,
partial sequence

GAAGGCTCCGGGCGCAACTTTCGTTCAAAGACTCGGTGGTTCGCGGGATCCTGCAATTCACACCAAGTATCG
ATGAGATATCTTTGTTTATTGTCAGATTCTCTTAATCTGCAAGGAATTATCCATCGGAGGATCGAATTCCGATC
CCCCGAAGCTCCCCG

>trans_s_6861 FJ870998|Gossypium hirsutum ATP synthase beta subunit 1 mRNA, complete cds

CGTATCATAAATGTCATTGGAGAACCCATTGACGAGAGAGGCGATCTTAAGACGGATCACTACCTACCAATTC
ATAGAGAAGCTCCAGCATTTGTTGACCAGGCAACGGAACAGCAAATTCTTGTCAGTGGTATCAAGGTTGTTGA
CCTTCTTGACCATAT

>trans_s_6862 DQ008617|Cocculus trilobus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AACGGCACTTGACATGGGTTAGTCGATCCTATCTCACCCCCCTTTGGGGTCTCTGCCGCGCAACAGCGCGAA
CTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCTAAAATTCT
CATGGCCGCCCGGG

>trans_s_6863 DQ015722|Chlamydomonas sp. CCMP 236 26S ribosomal RNA gene, partial
sequence

AGACACCTAAACACTGGGTTTTCTGATATATACAAAGTGAAACGGAGGTGAGAACCGCAAGGTGCATCATCG
ACCGATCCTGATGTCTTCGGATGGATTTGAGTATGAGCATAGCTGTTGGGACCCGAAAGATGGTGAACATATGC
CTGAATAGGGTGAACCC

>trans_s_6864 AB451201|Chlamydomonas pumilio var. pumilio chloroplast psaB gene for P700
chlorophyll a-apoprotein A2, partial cds, strain: NIES-1850

AGATGGAAGATGATCAATTAAGTGATGAAGATTGGGATTAATACTAAACAAAACCTATTTTTAAGACTCACGA
CAATTCAGTATTAGGTATTATTATATTATATTCTACACTACAAATGTTGTATCATTGATTTTGGTTATTCAATTT
TACGTTCCCGCCT

>trans_s_6865 GQ998668|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 6 protein (ndhG) gene, complete cds; chloroplast

CCTAGAGGTCTTATATTAGGAAGTATGGGAGTACTATTATTTAACAACTCCATTTATTCTGCTTTTTCGTTGGGA
CTGGTTCTTGTCTTATATCCTTATTCTATATTCTAGCAAACGCCAGTTTGTAGGACGACGCGTTGAGGGGCG
GGCATGGGGAGGA

>trans_s_6866 GU461603|Paphiopedilum vietnamense internal transcribed spacer 1, partial
sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial
sequence

CATGTGAACGGCACTTGTGTGTTTCTAATCCGGCGATTTCTGATCCTATGGATCGAGGAAGCACAAATTTATTG
CAGGAATGTTGAGTTACTTCGCCTTCGTTCTTCTCTCAGGCGAACCACCGAGTCTTTGAACGCAAGTTGCGCC
CGGAGCCTTCTGGC

>trans_s_6867 AP009368|Olimarabidopsis pumila chloroplast DNA, complete sequence

GGAGGTTTTATATAACAATAATTGCATTGTAGCGGATATAGTTTAGTGGTAAAAGTGCGATTGTTCTATTAATC
CCTTAATAGTTAAGGGAACCAATCCATCCCGAAGTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACACATCCCC
TCCAGGACGCCTGG

>trans_s_6868 AF384493|Loxothysanus sinuatus NADH dehydrogenase subunit 4 (ndhD) gene,
partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

ATGGCCTTTGCTGCCACGATCCACTGAGATTCAGCCCTTCGTCGCTCCGATCTAGCTAAGGAATTAGTGAGAG
ATTCTGGGTATCTGGTAACCATGTATGTAAGGTATAATCGGTAATTTGACAGCAAAAGCAATAAGAAATCCG
ATATAGAATAGTATTT

>trans_s_6869 AB525646|Jatropha curcas DNA, microsatellite marker JCT10

AGAGCCAGATGAGACCAGAATCTCAGTGATCAGAAGTAGCTGGTTGTAATATCATGGATTATCATTGGGAATC
CGTCTGAAGGTTTTCAAAAACAGAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCA
CTTCCACTTGACACC

>trans_s_6870 GQ998069|Bulnesia arborea voucher FLAS:M.J. Moore 334 23S ribosomal RNA
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TGTATCTCGATCTCAAGGCAGTAGATCATCCACCAGACTTTGGTTCTTGTCTCTCCGAGGTTCAAGGACACAGA
TGTACAACCTAAGTACAGGTAATCCCTGTTGAAGGTCGTTGAGCTTTTCTGGGAGTATGGCATGGGTTACT
TCAGCGCCGTAGCG

>trans_s_6871 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

AGCTTGGTTCGGAGAGCACTTGTTGGGTTCAATCTTTCTTCTGCTAAATGTTACGGCCTAAATGCTAAACTA
TTGACTCTACTTGTGTTGGATGGGTGTTTACCCCAAAGTGTTCTGGACTACATGCATACATCCGTAAGTAAGTT
AGTGCAACATGGCA

>trans_s_6872 AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

TATGAACCTGATCTTTTCACTTACAAGGATCTTCTTCTCTGAACGTTCCGGTGATGAGGTTGAAACAAACGACT
CGTCCTGAAGAACTTGACATGAAGTTGCTGTATATGTTCCGGTAAGGAGGGTAAATGTTGGAGCTCATGGCC
ATGTTGTGGCGTCAT

>trans_s_6873 XM_001699110|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGGGAAAGGAAGGATCGAAGGCAACTTGACCATACACCACTTCTTGCCCATACATCAGGGCAAGGGGCGAA
GGAAGTCAAAGTCAAAGCTTCTGCACACATTATCCACTAAGAACTAAATGCTAGGGGAAGGCTCTCACTCTTTT
CGGAATACCTTGATCC

>trans_s_6874 GU065695|Populus trichocarpa gamma class glutathione transferase EF1Bgamma3
mRNA, complete cds

CACCAATCCATCCCGAACTTGGAATACAACGATGAGAATACCGTTTCATTTGTGACTTTGAACAAAGTTGGT
GGATTCCTCCAGAGAATGGATATTGCTCGGAAGTATGCCTTTGGAAGATGCTTGTGATCGGATCAGAGGCA
CCATGTGGAGCGAGAG

>trans_s_6875 AY106416|Zea mays PCO123428 mRNA sequence

GATATAGCAAGTGTGCCGGGAAGAGAGAAATGCCCTTGCTCTTCTTATGGAAATCTCCATTTTCTTTTG
TGGAGAACGAATGAAGTAAGAAAGAAAGGGAATACCGATATCTCAGATCGAAGACTCCCTACTACCAAGAGT
CGGGGGGAACCAGAAAG

>trans_s_6876 DQ785833|Cucumis melo subsp. agrestis ribulose-1,5-bisphosphate
carboxylase/oxygenase large subunit gene, partial cds; chloroplast

ATGTCTCTGATTTCTTCACAACTAAGTTTTAGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCCTGAA
TATGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCGGGAGTTCCACCTGAGGAAG
CAGGGGCAGCTGTA

>trans_s_6877 DQ055133|Glycine max dehydration responsive element-binding protein 3 (DREB3)
mRNA, complete cds

AAAGCCGCTTACAAGCTCCGAGGCGACTTCGCCCCGACTCAATTTCCCTCACCTCAAGCACCATGGCTCCTCTGT
CGGTGGCGATTTGGCGAGTACAAACCGCTACACTCCGCCGTTGACGCTAACTCGAAGCCATCTGCCAAAAA
GGTTAATCACTCTGA

>trans_s_6878 DQ629510|Trichoclea tomentella small subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

TACCCGAAAGAAGGCCGAGTGGGTCTACTTGGCGACGACTGGTTCCTGAGACCCGACGAAGGTTGCGACAAC
AGTGACTGGCCCCTCAGTTCCTATTGTTGGTGTCTTTCCGATCTCTACGCATTTACCGCTCCACCGGAAATT
CCCTCTGCCCTACC

>trans_s_6879 NM_100436|Arabidopsis thaliana CALS1 (CALLOSE SYNTHASE 1); 1,3-beta-glucan
synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CALS1) mRNA, complete cds

TGGTGAAGATATCTTGGATTGGCTCCAAGCAATGTTTGGGTTTCAGGAAGGCAATGTGGCAAATCAAAGGGA
ACACCTTATTCTATTACTTGCAAATGTACACATTCGGCAATTTCAAAGTCTGATCAACAGCCCAAGCTGGATG
AACGTGCTGTGACTGA

>trans_s_6880 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
3-5

ACGACTATCGATGACGCTTTGCTTACCGGCTCAGGCTTCCAAAGGCGACCAGCTTGAAATACCTTTTGTTACGT
TACGCTGCCATTGATTTTTCCAATCTCATTGAATAGCATGGCCTGGGGTAACTTAAGTGGGAGAGGGGCACCCG
CAAACAGGGAATTTG

>trans_s_6881 NR_022607|Arabidopsis thaliana (AT2G35742) ncRNA

ATGGATCCCCGCGCTCTGTTGAGAGAATGGCAGTGATGAGCTTATGAGATTGTCATGCACCACTCTGATGATA
TGTGCTGATAAGTTTCTCTAAACCCAAGGTAAGTCTCCTTCTCTGCAAGAGACCTAGCTTCAATCTGAAGCAGG
TATCAATAATTGGG

>trans_s_6882 Novel Gene

CATGTTACTAAGACGACCAGAGAGAAGATTTCTAAATCCATAAAGACACATCTCAGGGAAGTGGAGGAAAGT
TTTTGGATGACCACCGTTACGGTGTGTTAGGTATGGCTAGTTTTTGCTCCAAGTGATGCCTCAATATAGCAC
CACAACATCCGCT

>trans_s_6883 HM245351|Botryococcus braunii strain Yayoi 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

ACGAACTTGAAATGATACATGAAAAGGCAACCAACAAGATTGCACTCTTAGAAAGTGAGGTAATGGCCTATCT
ATCTCTGTACTAAATGTTATAAATTACATTATGGATGGGTGGAAGTGAAGCAAGTATCATAGTTTTTCGATAG
AGGAAAAGGAAGAG

>trans_s_6884 GQ998174|Euonymus americanus voucher FLAS:W.S. Judd 8071 photosystem I P700
apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

GTAAGTTCCTTGCTTGGACAGGACATTTAGTCCATGTCGCCATTCTGCAGAGCTTTTCTCCGAGTGGATCGT
TCCGCCGGGAGGCTCGTGCGGTAACACGAAAACCTTCGGCTTCAACAGGGGGCACTTGACTGTTCCGAGGGC
GTAGACCCCAAAATC

>trans_s_6885 AY189050|Bolax gummifera 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

GCACATCACACACACACGTCGCGTCGTCGTGAGTGGACAGTTAACCTTTCAAACTCAAAAACTACAAACAC
ATACCCCCAAATTACACGAACAAACACACATAGGGTGGGACGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGC
ATCCGCAGGGACCATC

>trans_s_6886 AY429441|Gossypium barbadense fiber protein Fb37 mRNA, complete cds

CAATTTTCATCCTAATTCTATTTCTATTTCACTTTCTCCCCCATTCATCAATCACAACACAGGGGTATTATAATTG
TTTTGATCAATCCATGGCTGAAGAACATAGATGCCAAGCGCCGAAGCTTTGTGCGAACGGTCATAAGCGGGG
GGGCAGGGGGCGC

>trans_s_6887 M32603|Tomato ATP-dependent protease (CD4A) gene, complete cds

ATTAAAGAACTGATGGAGGAAATTAACAAAGTGATGAGATTATCCTTTTTATTGATGAGGTGCACACATTA
ATTGGAGCAGGGGCCGCGAGAAGGAGCCATTGATGCAGCAAATATATTGAAACCTGCCCTCGCCTCTCCTGAA
AGTACAGTACGACCTT

>trans_s_6888 AF419992|Closterium ehrenbergii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CACAAATTGACCGCTTTCGTGGTAACTTTTCTGACACCTCCTGCTTAAACCCAAAAGGTTGAGAGGATCGTGA
GGCCCCGCTTTCACGGTCTGTATTCGTACTGAAAATCAAGATCAAGCGAGCTTTTGCCCTTCTGCTCCACGGGA
GGTTTCTGTCCTC

>trans_s_6889 BT005355|Arabidopsis thaliana At5g66675 mRNA, complete cds

AGTGCACGAAAGGACGAACCGAGCTCTCAATTCAGTGGCTGATGGAGTTGCGGTTGGGTCGTTGTCAATGGA
TGCACTCATGGAGGTCACTGACTTCTTACTGGAAATGAATGGAGATGCTGTCAAGATTATCCTCGAAGATAAG
AGAAGCACCCAAGGGT

>trans_s_6890 XM_002894267|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata photosystem II 5 kD protein, mRNA

GCCCTCTTCCCCCTTTGAAGTATGCTCCAATCTGTGTCACAATGCCTACTGCCCCGATTTTGCCGCAAGTGATTTT
GAAGAGATGTATTTTTTTTCTCTGTTGTCTTTCTTCTTGTCTATTAACCCCTTCCCGGGTTGGGACTCAGG
GTTCTGGGTCG

>trans_s_6891 DQ790226|Strombosia philippinensis 26S ribosomal RNA gene gene, partial
sequence

GGTCTCCTTCTGGCTCGATACTCAGATGGCAATGGAGATTATTAGGTTTCGATTCTGCCAGCTCTCAGAGGAGT
TACCTAAAGTCTTCTCCCTGCCACAAATGTCCGGCGGCACTCAATCCGCATCGGTCCATGCCCCAAGTCGATTG
GCGGACCGGCTCAT

>trans_s_6892 Novel Gene

CTATTACGCACTCTTCAAGGGTGGCTGCTTCTAGGCAAACCTCCTGGCTGTGAGAAAACAAGAAATTGGTTA
TTGCTCCTTTACTTTCAAGAACTCGTATACCTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAACCTCAACAG
CAGCTAGGTCTAGA

>trans_s_6893 AB331312|Acorus gramineus chloroplast rpl2, trnH, rps19, rpl22, rps3 genes, partial
and complete cds and complete sequence

AACCATATATATTATATTATATATATATAGGGTAGGGGGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGA
TTGTGAATCCACCATGCGCGGGTTCAATCCCGTCGTTGCCCATATTCCAATTACGTGATGATTCTCCGTGT
GAGAGTACTCCCACT

>trans_s_6894 L20417|Pseudotsuga menziesii transfer RNA-Asp, transfer RNA-Tyr, transfer RNA-
Glu, transfer RNA-Ser and PSII protein (psbI) genes, chloroplast genes encoding chloroplast proteins,
complete cds

GTTGAACTTCACATCTCTCTTCAAGGAGGCAGCGGGGATTCGACTTCCCCTGGGGGTACCATGGGGAGGGG
GGCTTACCAGCCCATTTTCATATTTCACTTTGTCTTGGAGTCAAATGGACCTACCGAACGGGGAAAGGGTTGG
GCCGAGAATGTGGGGG

>trans_s_6895 GQ998867|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C 5S ribosomal RNA (rrn5) gene, complete sequence; chloroplast

AGAGTTTAACCAACAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGTCAATGAGCCCTGGGCTGGCC
TATGCTTCGGAAACATCTTGTCTCATCACCGACTAGACTCTCTCAAGTGGTCATAGAAGCAACAGATGGGACA
GGGACAGGGACCATC

>trans_s_6896 XM_002863251|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase ND6, mRNA

CAGATTCTAGAGCAAGATTTAGCGGATAATAGTCAACAAATTGGAATTTATTTATCAACATATTTTTTCTTCCA
TTTGAATCATTTCGATCATTCTTTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCTCATTATTTAGAAA
TCAATCTTTAT

>trans_s_6897 Z11883|S.tuberosum U1snRNA variant genes U1-1, U1-2, U1-3, U1-4, U1-5 and U1-6

TAGGACGAAGTGTCATGGATAGACTGTGTGACACCCACTACTTAGGCGGGCACCCTCCTAAAGTGCAATG
GAGATCACCAACCTAGGCCATGAGCCTTCCTGATCGCCCATTGACCCCGTCCACGAGAGCCGAGATATCCGTT
GCCGAGAGTCGTTGTT

>trans_s_6898 D89971|Vigna mungo mRNA for asparaginyl endopeptidase (VmPE-1), complete cds

GATGAAGGGCGTCTTTGATTATAATGGCGTGAATTGCATTGAAGGTTGGCAATACTAACGTTTAGCGATTCTC
CGTCGGACCGTTTAGAAAACCAAACCTAGTACCGGAGCTTGTTTCAGCGATGTAAGATGGAAACCAGCTTCATT
GACGACTGCGCATCC

>trans_s_6899 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete
sequence

CTGATGACAATGGTGATCGGGAAGTGGGTGCGAGGCACGCGTCTGTGGCCTGTAAATCATATTCATTGATCTT
CATTAGATTGGGTGTCTCAGATTCTGGTATGGCATCCAACATGGATTTCCAACCTCTGCTTCTTCGGGAGCTT
AGATGCAAAGTTCT

>trans_s_6900 GU227355|Punica granatum RNA polymerase alpha subunit (rpoA) gene, complete
cds; chloroplast

AGCGCCGTGCCTCAAAAGGTGCAATATACATACATTATTTGACCTTTTGAATAATAGTCCAGACGAACTTATGA
AAATCAAACATTTTCGCATAGAAGACGTAAAACATATATTAGACATTCTCGAAATGGAAAAGAATTTTGCATA
ATAAACTTTCTCAA

>trans_s_6901 AF496655|Arabidopsis thaliana cell cycle-related protein (EXO) mRNA, complete cds

ACTTGGTGGAACCTAACGGAGAAGTATTACAAGAAGAAATCGAGTCCCCTGTTTCTCAATCTCGGCAAGCAAA
TCTTGGATGAGAATTACTCGTTGGGGAAATCACTAACCAACAAAAAATCCTTCAACTGGCTTCAAAAAACAA
GACAGACACCCGGTT

>trans_s_6902 AB491632|Picocystis salinarum gene for 26S rRNA, partial sequence, strain:
CCMP1897

GTTTCATCTGAGCCAGGATCGAACTCTCCATGAGATTCATAGTTGCATTACTTATAGCTTCCTTACTATCGCAG
GTATCCAATCACCACAAGCCAGTTATCCCTGTGGTAACTTTTCTGACACCTCTAGCTTCAAATTCGAAGGTCTA
AAGGATCGATAG

>trans_s_6903 GQ998174|Euonymus americanus voucher FLAS:W.S. Judd 8071 photosystem I P700
apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

GTAAGTTCCTTGGCTTGGACAGGACATTTAGTCCATGTCGCCATTCTGCAGAGCTTTTCTCCGAGTGGATCGT
TCCGCCGGGAGGCTCGTGCGTAACACGAAAACCTTCGGCTTCAACAGGGGGCACTTGACTGTTCCGAGGGC
GTAGACCCCAAAATC

>trans_s_6904 DQ445483|Cucumis melo UDP-glucose pyrophosphorylase mRNA, complete cds

ATTTATCAACCTTGTCTCTCGCTATCTCAGTGGGGAAGCACAGCATGTTGAATGGAGCAAGATCCAGACTCCA
ACAGATGAAGTAGTGGTTCCTTATGATTCCTTGGCACCTGTACCTAATGATCCTGCTGAATGATTCTTTGCGCC
AGACAACAGGTTTG

>trans_s_6905 Novel Gene

TGGGTGCTCCGACGATCGGGAAGGAAAGAAATCAACCGAGACCCCGTTAGTAGCGGCGAGCGAGAGCGGAT
TGGGGGTTTTAGAAAAAGAAAGACGAGGCTTTGTTCAATTGACTGAAGTCGATCTTCTTGAACCGCTCCGTG
GGTCGAGCGAGTTCTT

>trans_s_6906 AJ004915|Malus domestica mRNA for phosphoglyceromutase, complete cds

TGTGGAGATTCCTAGTGATTCTGGGATCACTTTTAATGTTTCAGCCAAAGATGAAGGCTATAGAAATCGCTGAG
AAGGCAAGAGATGCAATTCTTAGTCGGAAGCCTTGTTGAACGTACACCGGTCCGTTGGGTAACAGTGCAACA
AACTGTGTCAACAGT

>trans_s_6907 XM_001701341|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GAAAGGACCTTGGAAAAAATTCGTCAGGGTTGGACACTGTTTTAGGTCTTTGAGGAGTGGTCGCCACGGC
CACCGGCTGAACTTGTTGGGCCAATGACAACCAACATGGTGGTGGCTCTAGCAGTGGTGAATACCCCAAGGC
CTCGAAGAGTTACCCA

>trans_s_6908 X61206|N. plumbaginifolia Nelf-4A3 mRNA for nicotiana eukaryotic translation
initiation factor 4A

GAAGACAAACTGGAATTCGAGACGACGGAGGGGGTTGAGCCGATCTTGACTTTGATCAGATGGGCATTAAA
GATGACCTTCTTCGTGGAATATATGCATACGGTTTTGAAAAGCCATCTGCCATTACAGCAGAGAGCTGTGAGGC
CGATATAACGACCAA

>trans_s_6909 EU373074|Gossypium hirsutum gland development related protein 84-like mRNA,
complete sequence

TGAACTGATCTTACAGAGCGAGATGGTGGGATGGAAAATCTATGGAAGAAATTCAATGGTGAAGGTTAACGA
TAAAGCTTATTGTCTAGGGTTTGTGATGGTGGATTGAAGCCGAGAAACGCCATCGTTTTGGGAGGGTATCAA
ATGGAGGATATCGTC

>trans_s_6910 GQ998802|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ATP synthase CF0 subunit IV protein (atpl) gene, complete cds; chloroplast

GAATCAAAAGCTGAAAAGCCTTTATATAATCGCTGATGAATTAGTAGTTGTTGTTCTTGTCTTTAGTACCTTT
AGTAGTTCTATACCTGTTATGTTCTTGGATTATTTACAAGTGGTATTCAAGCTCTATTTTTGCAACAAATGA
GTACCGATAT

>trans_s_6911 NM_115599|Arabidopsis thaliana AGL18; transcription factor (AGL18) mRNA, complete cds

TATCTTCTTGGGTAGATAATCGATTGTCTTTCATTTTGATAGTGAGTTGTTTTTTCATAATAAGTAAAGAAGAA
GATCTGGAGGTTATGCAATAGACCGTGTTGGAGAGAAAGAGGAAGATGGTTAAACTCTACTGCGGTGACGAT
ACACATCCCCTGG

>trans_s_6912 XM_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

TGTGGGACTACAGTAAACCAGCAGTGAAGAAGCGATTTGATTGTTGTTCTCAATTTAAATGCTCAATTGCAA
AAGGGATGCAGATTTGAAACAGAAGCATGTCAGCCGGAATCTCTGTGAAGGGATCCGATACCGATATATCAA
GAGGAAAAATGGAGG

>trans_s_6913 NM_119407|Arabidopsis thaliana LUG (LEUNIG); protein binding / protein heterodimerization/ transcription repressor (LUG) mRNA, complete cds

GGGTGCTGGCAGTGTCAACCATGGATGGTAGCATGTCAAACCTATTTCTGTTGAAATGATCAGTTTCAAAGAAT
CAGACTGGGAGAAAGAGGAAGCAACCAAGTATCATCTTCAGGTCCAGCAAATAGCTCAGGAACAGCAAATACT
GCTGGCCCATCCCCA

>trans_s_6914 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

ACGAAACCTCTAGAAAATGGAAGAGTTGCGTGAATCAAAAATCCAAGGGAGGTTTCATGGCCAAGGGTAAAG
ATGCCCCGAGTAACTGTTATTTTGAATGTACTCGTTGTGTTTCGAAACGGTGTTACGCCTGAATCAATAGGGATT
TCCAGTATATAATAG

>trans_s_6915 Novel Gene

TGACGATGCCCAAGTCAAGAGATTAATATGGTAGAATAAACAAGTCAAGAGCAAATCTTTGGTCCTAACTCA
TATTGCATTACAGCTCTCCTGACAGTCGAGCCGCTTTCGCTCGTCTTGACCCGTCCGAAGGCTCAAAGAATGAT
CGACGAGACTCCC

>trans_s_6916 NM_001058746|Oryza sativa Japonica Group Os04g0194500 (Os04g0194500) mRNA, complete cds

TTGAGTGGGATTGAGTTTGGATTTATGTTGCTGTGGTTAGATCCTGATTGTTGACATTCTAATTTGTAGTTTTAT
GTTCTTTTGTTCCTATGTTGACCAATGAAACATGAATCCAAGTCTGGCTTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_6917 AM941723|Phaseolus vulgaris partial MIPS gene for myo-inositol 1-phosphate synthase, cultivar Taylor's Horticultural, exons 1-10

GGGGTTTAATAAATTTTTTTTATCAAAGCAATTAGTGTAATTTTCCTAATGTTTTGAGCGGATAAATATGAAAT
TCTTTTCTTTTGTAGGCTATGTAAAAAAAATAATAAATCGTTTGTACTCAATTAACCCCGTCCGGCAA
AACTTCCCC

>trans_s_6918 AJ875407|Glycine max mRNA for N-rich protein (nrp gene)

TGTGACTAGGAAGATATGTGATCCTCTGGAAGAGGACTCTTTTAGACCAATTCTTCACCATTACGATGGCCCCA
AGGGGATTAGATTTGAGTTGTATCCAGAGGCACTTTCTCTGCTGGATATATTTGGAGAACAATCCTCCTGAAC
ACTAGAACGTGCT

>trans_s_6919 AY225064|Epipactis helleborine NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial
cds; chloroplast

TACCATGGTAGCAGCGGGAATTTTCTTGTTGCTCGGCTTCTCCGCTTTTATAGTAATACCTTACATCATGAA
TCTAATAGCTTTGATAGGTATAATAACAGTACTATTGGAGCTACTTTAGAGAGGTAGACCCCCTATATTTTCTC
CCTGGCGATT

>trans_s_6920 X62099|E.virginiana plastid ribosomal RNA operon, trnI and trnA pseudogenes

ACCCTCTGGGGTGCCTATGAGTTTAATAAGTCTCTAGGGATAAGGATAACTTAGGTCTCTAGCCGTAGTGGGG
CCGAAAGGAAGGTAGGAACACACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACA
CATCCCCTCCAGGAC

>trans_s_6921 XM_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family
protein, mRNA

TGGCAGTCTGTAGGCAGAGGTAATGTGGTCATATCCAGGGGCTACATCTGTAGTCAAAGGACCAAGAGTGT
AAAAAGGAGCTTCATTACCAGGAACCTAGATCCCCCTGGGAGTATGGCATGGGTTACTTCAGCGCCGTA
GCGCCTGGTACTCGA

>trans_s_6922 CP000582|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 2, complete sequence

TCTGTCGAGACTAAACGTGCTGCAATCGATCTCCGTTTGACGAAAGGGCTCGTCCCATAACAATGACGGTGTT
TCGGTTGCAATGTTACGTGGGTTACACAATGCTCATATCGAGCGCGCGCACGACGTTCCGTGCTCGGCCTCC
GCTAATAGTTAGTG

>trans_s_6923 XM_001690921|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CGTCTATTATTTCCAAGATCTAATTCGAGTTTTTCTTAGGGAGTGTAACGCCTTACAATCTTCAGTTTTACGC
TTCAGGGAAGAAATGTTCTTGGTGGATGCAGGACCTGGTGGGACCCCATCCGGGTGCGTACCTCGTCTAAG
CACTTCTGTAACC

>trans_s_6924 FJ858257|Vitis vinifera cultivar Sauvignon Blanc lipoxygenase (LOXO) mRNA,
complete cds

AAACTAATCTAAAAGCCGAGAGGGTAAATTACATAGCAGAATTTTACTGACCTCGGACTTTGGAGAGCCTGG
AGCCATCACAATTACCAACAAGCATCAACAGGAATTCTTCTTGAGACTATCACAATCGAGCATAAACGCCCG
AGCTTTATTCATTT

>trans_s_6925 FM992583|Zygnema sp. ASW07067 chloroplast partial 23S rRNA gene, strain ASW
07067

TAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTATGGCAGTGATGAGCTTATGAGATTGTCATGCACCACT
CTGATGATATGTGCTGATAAGTTTCTCTAAACCCATTGATCTGAGCCTCTCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCT
CAGGATGTTGCGA

>trans_s_6926 FM204765|*Luculia gratissima* chloroplast tRNA-Ser -GCU gene (partial), trnS-trnG IGS and tRNA-Gly -GCC gene (partial), specimen voucher CT 870064

GGGACGTCGGCGGGGAGAGCTCGCTAGAAAATATTACTTATTAATACGACTTATTTTCGTCTTCGACAAAAGG
TCCAAAATATATGTATAATTGCATTGTAGCGGATATAGTTTAGTGGTAAAAGTGCGATTCTTCTATTAATCCC
TTAATAGTTAAAC

>trans_s_6927 XM_002868414|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* eIF4-gamma/eIF5/eIF2-epsilon domain-containing protein, mRNA

GCTCTTCGCCAGGTGAAAACATGGGCAGAACTGTTGAATACCTTCTGTAGCACAGGGAACTTGAGCTGGAA
CTGATCTACAAAGTTTCAGATGCAATGTTATGAGGATGCTAAGTTGATGAACTTTTCCCTGAAATTGTTTCTGA
GAGTGCAGTGGTGG

>trans_s_6928 BT010331|*Arabidopsis thaliana* At3g62310 mRNA, complete cds

GGGGAATAGTCTTATCAACAGGTGGACTGGGAGGCAGTTCTCGCAGAGGTACTATGAGATTTTGGAGAAGA
GGAAGACCTTGCCTGTTTGGCGAGGAATTTTTTCAGGCTTTGAAGAGCAGTCAGACTTTGATTTTGGTTGGTG
AGACTGGTAGTGGTCG

>trans_s_6929 NM_001057591|*Oryza sativa* Japonica Group Os03g0711400 (Os03g0711400) mRNA, complete cds

ACAACGACTCTCGGGTAGGGAGCATGATAGATTTTGGATTCTTCTGCTCATCCGGAGATGAATTTATTGGCA
GCAGGGCATGACAGTGGCATGATTGTCTTTAAGTTGGAGAGAGAAAGACCAGCCTTTGCTGTATCACCCTAA
GAGATAGGGCGTGT

>trans_s_6930 AJ236706|*Humulus lupulus* H17SL-1 gene for signal recognition particle

CCAGGTTCCATGGTCTTCTAGAGCGGAGGGGAACGCGTGAGGCTGGCTCGACAGAGCAACGACAACCTCCCT
CTCCATGCAGTGGAAGGATAACGGGCCGTGCCTGTCGGATCCAATTGTCCCAGTGGGGATGGCCCTCACCG
AACCTTCATTTTCGCC

>trans_s_6931 NM_001060169|*Oryza sativa* Japonica Group Os04g0577600 (Os04g0577600) mRNA, complete cds

TCTTTTATTCCTTGAAATTCAAACCCGTCATATTTTCATTGATCCGTATTTTCAGTGGTCCGAAGGACAGAAAGTT
TGAGTTCCATGAATGAGTCCGACCGCCCCGTGGGAATATGTAGGATGAAAGGACCCAGAGATGCGGATGACT
CAAACCTTCTTCTT

>trans_s_6932 AF374993|*Sauteria alpina* isolate SauC1D2 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCTAGACCTGTGGTTCACACATTTTGGTGTACGGGACTATCACCTGTACCGTCGGACTTTCCAGACCGTTCCA
CTAACACACAAGCTGATTGAGACTCTGGGCTGCTCCCCGTTCGCTCGCCGCTACTGGGGGAATCTCGGTTGAT
TTCTTTTCCTCGG

>trans_s_6933 Novel Gene

AACTAATTGTGGGACAGTCGGGGGGTAAGCATAAAACATAGACCTCTTTTCTGACCAACGAGATGTTCTACCC
GTGTATATATTAATGTTTTTCAGAGAAGTACATCATGTAATCATTTTTCAACTAGAATAACTCTTTAGCTACAGA
ATGAGATAATGA

>trans_s_6934 X58118|F.ananassa 26s rRNA gene

ACTCTTACCAACGGCAGTTAATAAACGTCCCGGTTCTAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTCGAAGTTTCAATCC
AGCGTCTCAGAGACCCCAAAGGGGGCAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAA
CCTTTCCCCTCTT

>trans_s_6935 X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

TAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTAAGAGGTCTAATGAGGCGCAGAGCCACTGCATGTTGT
CTCAGCAGCGCACATCAGCGGACCCTCTCGGGTTTGCCAGCTCAGATTCTCTCTGCAGAGAGTTGAGAAGTT
AGACTTCGTCCATA

>trans_s_6936 GQ998809|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 2 protein (ndhB) gene, complete
cds; chloroplast

GGCGAAGATGCTTGTGACAAAAGGATCACCTAAGATGATCATCACATGGCTATTGAGAACGAATCAAATCA
GATGGTTCTATTTCTCAATCTTTCTGACTTGCTCCTACGGAACTAAGGTGCAACCTCGGTCTCCCCGACTGAC
GGACACCAACAG

>trans_s_6937 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

GCGAATATGATATGCTTAACTCAGCGGGTAGTCCCGCCTGACCTGGGGTCGCGCAGATCGGAGCGACGAAG
GGCTGAATCTCAGTGGATCGTGGCAGCAAGGCCACTCTGCCACTTACAATACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGT
CTGCAAAGGATTCT

>trans_s_6938 DQ371927|Vicia sativa subsp. nigra vicianin hydrolase mRNA, partial cds

AGGGTCTGGGCTTTTCTCGTTTACACTGCTTCCATAGAAAGCTCCGGCAGGTGGGCGAGATTTCTACTGC
AGAGCTCAATGGAGAAGGAATCGCTTCAACCAGTAAGCAGAATACTTGAGGTACCTTGCTAATTTGTGCCTAA
AATCAACACGAG

>trans_s_6939 AY968423|Xerosicyos danguyi 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACAATGTTTGTTCAATTACTCTTTTACCCGCAAATGCGATGTAGGCATTCGGTTCGGCAATAATGATATCCCCC
AACCTTCCCTCCCGACAATTTCAAGCACTATTTGACTCTCTTTTCAAAGTCCTTTTCATCTTCCCTCGCGGTACT
TGTTTGCTA

>trans_s_6940 AB058375|Coccoid prasinophyte sp. MBIC10622 gene for 18S rRNA, partial
sequence

GAATAAGACGATGTCGTTTTTCGCTCGACGGTACCGGTGGTTGAGGACACGAGGAATTCCTAGTAAGCGCGAG
TCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATCGGGAATGGTCCA
ACAGTCACACTAAG

>trans_s_6941 AB530961|Crepis rubra chloroplast rbcL gene for ribulose 1,5-bisphosphate
carboxylase, partial cds

GAACATCCTGTCTTTTACCGCTCCGTGGGTAGTCCTATGCATAGTCAGTACTATAGCCCCAATCATGGCTACT
ACGCCCCGAGAACACCTGGTAAAGAAACCCAATCTTGAGTGAAATAAATACCGCGGCTTCGGTCTTTTCAAT
AAAATCATCATG

>trans_s_6942 DQ168958|Oenanthe silaifolia voucher Lee & Downie 1889 PsbI (psbI) gene, partial
cds; PsbK (psbK) gene, complete cds; tRNA-Gln (trnQ) gene, complete sequence; and Rps16 (rps16)
gene, complete cds; chloroplast

CTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAAATTGAAGTATTGCTAAGACTTTTTCAAAAACCTACCCATGTCATAAGA
GTATAGATTACTATGGACCACTAACCCAATGACTATACATGATTCCATAAATGAATCAATTACATACCAGTTC
CAAGAAATTAGA

>trans_s_6943 AY641412|Hordeum vulgare subsp. vulgare retrotransposon Sandra5, complete
sequence; splicing factor SF2-like protein (SF2) and universal stress protein (USP1) genes and Hv
receptor-kinase-like pseudogene, complete cds; and retrotransposons Sandra6 and Sandra7,
complete sequence

CAACAGGCGCCTTCACGTCGTTTTCCACCACAAAAAGAAAACAAAGACCTGCGAAGGCTCCAATTTGTTACTTC
GTTCTAACTTACCCGAACCAGGCCCTCCGACGCAGATTGAGCCAACGAGGCTTCCCATGAGTTCAGGCCCGCA
TATCACCCCATC

>trans_s_6944 AY688719|Jungermannia leiantha 18S small subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

ACTTACCAGGTCCAGACATAGTAAGGATTGACAGACACCGCTGTGATGATGAACATAAACTTTGTTCTCTCT
GAGGCTATGAATGCTGATAATCATTGGATCAAGCTAAGAAGGAATATTCCAATTACGTGATGATTCTCCGTG
TGACTGTACACCT

>trans_s_6945 AB465526|Aegiceras corniculatum chloroplast DNA, microsatellite marker Acorcp04

ATTTTCGCACATCACTCCTTCCCCCCCCAGCCCCAAATTGCACCTCCAAGAAGCGTAGATTTATTTCAATTATT
GTTTTCTTTCTATCCCGAATACTGTGTCTTTCTACTAAGACGGAGAGCGGTAAAGAAAATTGAAAAAATGCATA
TGATCCTTCC

>trans_s_6946 S47364|atp9=ATP synthase subunit 9 {RNA edited} [Triticum aestivum=wheat,
mRNA Mitochondrial, 311 nt]

TACAATTGCTTTAGCGGGAGCTGCTGTCGGTATTGGAAACGTCTTCAGTTCTTTGATTCATTCCGTGGCGCGAA
ATCCATCATTGGCTAAACAATTATTTGGTTATGCAATTTGGGCTTTGCTCTCCAATCCTAGCGGTACGGTGGG
TAGAGCCGAGC

>trans_s_6947 AB539053|Cucumis sativus CsPIN6 mRNA for auxin efflux facilitator, complete cds

TATTCTGGTGTCTAGGCGAGGATGGCAATGACGACGGCGAAGAAGATCATAGGTTATATATAGAAGAAGTT
TGAGGAATGCTTAGAGAGAAGCCGCAGATGTTGGAAAAATGTCGGGAACCCTGCTGGTCCCATGGAGAGCC
CAGCGCAGGGGAGATG

>trans_s_6948 DQ008659|*Illicium floridanum* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGATTCCGACTTCCATGGCCACCGTCCTGCTGTCTAGATGAACTAACACCTTTTGTGGTGTCTGATGAGCGTG
CATTTTAAACATACGGCCCGCGGAATACCTATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGG
AGCTCTCGATT

>trans_s_6949 DQ069656|*Ginkgo biloba* photosystem II protein D1 (psbA) gene, partial cds;
chloroplast

CAGTACATGGGCTACCTACTCAGTCCAAACGCGAAAATATTTTCTGATTAGCAACCATGGCCCCTGCGCAAGG
ATGATGAATGGTTATACAACGGTGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCATGTTAC
ATGGGTCGAGTC

>trans_s_6950 AF036308|*Arabidopsis thaliana* scarecrow-like 13 (SCL13) mRNA, partial cds

CATCCAGGATCTTGCCAATCGGCCTGGCGGACCCCCAGCTCTTCTTCGCATTACGGGTGTGGATGATTCCCAAT
CAGCTCATGCTCGAGGAGGGGGACTACAAATCGTGGGACAGAACTTAGCTCAGCTGGCTCAAGTCAAGTCAC
CCTTTTGTGTTTC

>trans_s_6951 AB331359|*Digitaria sanguinalis* chloroplast rpl2, trnH, rps19, rpl22, rps3 genes,
partial and complete cds and complete sequence

CAGGATTGTCTGGCCATCTGAACTTTGGGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGATTGTGAATCCAC
CATGCGCGGGTTCACGGAAATGAACCTCTTTCATACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAA
GATTAAGCCATCG

>trans_s_6952 AF198005|*Sphagnum macrophyllum* isolate SB81 26S large subunit ribosomal RNA
gene, partial sequence

GGAAAGAAGACCCTGTTGAGCTTGACTCTAGTCCGACTTTGTGAAATTACAATGAGGATAAAAAGCTCCCTCT
TCTGAAATCCATTGAGGAGACTCTGCTGGCAGAATCGAACCTAATAATCTCCATTGCCATCTGAGTATCGAGG
GTCGGAAGAGGTT

>trans_s_6953 NM_001064049|*Oryza sativa* Japonica Group Os06g0320700 (Os06g0320700)
mRNA, complete cds

AGGAGCTGGCTGGAAGTGGCATTTCAGATGAGGAGCGGAAGGCCTCTATGGATGTAGTAAATCCTAAATATA
TACTGAGGAACTACCTATGCCAGACTGCGATAGACGCAGCTGAACAAGGTGATTTTGGAGAGGTTTCGAGGAT
CAAGTGTTTGTACTC

>trans_s_6954 XM_001696595|*Chlamydomonas reinhardtii* strain CC-503 cw92 mt+

ATTTGCAAACGTCTCTCCACATTTAGGGATAGACTGCTGTCCGTTCTCAAAGTAGACATGGTCCTCGAGTTGT
GTTAGCTTTCGGCTGCTGAAGACACACGAGAATATTCAGAACTGGTGCAGACACTATGTGCACTTCTAATG
GCTCAGCCCTAT

>trans_s_6955 XM_002304310|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family, ABC transporter family, mRNA

GTTTGGCAATAAGACCAATGGTGACAAAAGCATAGAGACCACCAGCAAGTGCAATCAAAGGGACAATAGATA
ATGTGACAAGACTGATTTGCCATACTCTCACAAATCCAATGATAAATCCTGATATAAACCGGCTTATGTAATGC
AAAAAGTTCCTA

>trans_s_6956 NM_105147|Arabidopsis thaliana CP5 (CP5) mRNA, complete cds

CGAACGGTTTTTGAGGATGCAACCCCTCAGATGGTAAGAGACTTCTTTGGGATGATGAATTCAGAATGAAAT
GGGATGACATGCTTATAAGTGCTCAAACCTTGGAGGATTGTTCTGCCACAGGAACCATGTAGTGAATAGTTTG
TGCGTTGTTGGGT

>trans_s_6957 U01162|Amaranthus hypochondriacus C4 photosynthetic NAD-dependent malic enzyme subunit alpha precursor mRNA, complete cds

CCAGATCTTTCACCACAAGCGAAGGACATCGTCCCACTATTGTTTCATAAACGTAGCCTCGATATTCTTCACGAT
CCGTGGTTTAACAAAGGAAGTGCCTTTACAATGACAGAACGTGACAGGCTTGATCTTCGAGGACTTCTTCCAC
CAAATGTAATGT

>trans_s_6958 NM_001056466|Oryza sativa Japonica Group Os03g0314100 (Os03g0314100) mRNA, complete cds

GAAGATTGTGGTCTCCACAAACATTGCAGAGACTTCGTTGACCATAGATGGCATTGTTTATGTTATTGACCCTG
GCTTTTCAAACAGAAAGGTTTATAATCCTCGAGTACGTGTGGAATCATTATTGGTGTCTCCTATATCGAAGATC
GACATATGCTG

>trans_s_6959 CT029973|Poplar cDNA sequences

TAGCCAAAGGTCACCCACATGCTCAATCATGGGATGATGCACTGAGCAAGGCGAGGTTTGAGTTCCGATGGA
TGGATCAATTTGCTTTGTCATTGGACCCTATGACTGCCATGTCATTTTCATGATGAAACCTTGCCATCGAGGATG
TAACCTTGCTC

>trans_s_6960 XM_002308621|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

CAGATGTGGTTCGCACTGATTGATTATCAGGGGTAGCACAAGGAATTTCTCCAGACACTGATTGGCCATTTGT
AAGGAGTGGTATAGGTTGAGACTCGTGTCTCGCAGAAGTAGATAGTTCAGCATCTTCCCCATGCCACTGTCGT
TTAGTCTTGCTA

>trans_s_6961 DQ914794|Cucumis melo xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 1 (XTH1) mRNA, complete cds

GGGGGATTGGTGAAGACTGATTGGACGCAAGCCCCTTTCACAGCATCATACAGAACTTTAATGCGAATGGG
TGTGTTGCATCATCTGGGTCATCATCTTGTGGCTCTAAATTTTCGAGTAGTTTACAAGGTGGAGCACAAAGTCT
CAGCTCGTAACC

>trans_s_6962 XM_002316510|Populus trichocarpa precursor of carboxylase t-protein 1, glycine decarboxylase complex (gdcT1), mRNA

AGTGCCTTCAGAGAATGCACTAGATCTTGCCAAAGCAATCCTGGAGAAATCAGAAGGGAAGGTTTCGATTGAC
AGGACTTGGTGCTAGAGACAGTCTTCGACTTGAGGCTGGCCTGTGTTTATACGGAAACGACATGGAACAACA
ATAGTCTCTAATGG

>trans_s_6963 DQ455238|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BC43M23_169 sequence

GGCAAATATCTCAATGCAGCAACAACCTGCCTTATCTGGAGATGCTGATCCTAGTGAAACACAGTCCTCCGTG
CAAAAGATCCTACAAGAGATGATGATGAATAACCAAATGAATGGGCCAAATAGTCTAGTTGGTGTGGGGAA
TGTTGACCGTCCG

>trans_s_6964 AF043539|Spinacia oleracea ClpC protease (clpC) mRNA, chloroplast gene encoding
chloroplast protein, complete cds

TCTGGAGAACCTAGGTGCTGATCCTAGTAACATTCGCACTCAGGTTATTCTGAATGGTTGGCGAGAGCACTGAG
GCTGTTGGTGCTGGTGTGGAGGAGGAAGCAGTGGGAACAAGATGCCAACCTGGGGAGACGCAATGTGGG
CCCCACTAAATCAA

>trans_s_6965 NM_119855|Arabidopsis thaliana LEJ2 (LOSS OF THE TIMING OF ET AND JA
BIOSYNTHESIS 2) (LEJ2) mRNA, complete cds

TGTTGCTTTCAAATTTAACTTTGAGGTTTGATCGGATGAAACAGCCTTGGGAAGTTCTGGTGGAGAAGAGTGTA
TCTGGATTTCTGTAGTTGATGACGACTGGAACTGGTTGGCGTTGTCTCAGATTATGATTTGTTAGCATTGGA
CTCAATTCAG

>trans_s_6966 U92504|Brassica rapa PSI-H subunit (psaH) mRNA, complete cds

AGTTGTTTACCCACAGGTTGTCACCATACTTAGCAACAACAGCACCAGCCTTGAAGTTTTTGGTCTGAAGCT
CTGGCGAGATGGTCTGAGAGGGAGCTTGGCTCCGGCAAGGGAGCTTCCACCACTCAAATTTACGGTGGCCGG
TTGAACGGCAGC

>trans_s_6967 Novel Gene

ACCTGGAACGAGCGACCGTTTCGCTCAGGAGTGAGGCGTGTGCGCATCTGGAGGTCCTGCCCTGAGCAATA
ACCAATTTCTGTTTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTTAAAGGTCAGGCGGGACTACCCGCTGAGTTTA
AGCATATCATAT

>trans_s_6968 L16977|Petunia hybrida glutamate decarboxylase (gad) mRNA, complete cds

GTGATCCGAGAAGATTTTTCTCGCACGCTTGCTGAGCGTCTTGTGAATGATATTGAGAAAACATTGCACGAAC
TCGATAGCCTCCCATCGAAGGCTGATATGAAGACAACGGTGGCTGGAGAAGAGACGCAGAAGAACAATGTT
GTGTGTTATCAAGT

>trans_s_6969 DQ113474|Mantoniella squamata mstua1 alpha-tubulin gene, partial cds

AGGGAACCATGGAGGTATCTTGATTTTGACACCCATGTTCTCTCGGTTTTGCAAGTTGTTCTGCTTCAGACACG
GTGGTATTTTGATCATCTACTTCCTGTAAAGATAAGAACTTGCTTCTCGGCCCAAGTTCTTCGTCTGTGGAGGC
CTTCATGCCT

>trans_s_6970 AY107946|Zea mays PCO086250 mRNA sequence

GTGAGGCTGATGAATTGAAGAGGGTGTCTTGGAAGGAAATCCCTATCTCCTGGCCGTTACTATGATTGTCTC
ATTACTTCATTCAAGTTTTTGACATGCTCGCCTTCAAGAATGATATCCATAAAACGAACATTTTATTAGCCCCCA
AGGATCCCTA

>trans_s_6971 DQ407118|Euphorbia milii var. splendens RNA polymerase beta chain (rpoC2) gene,
partial cds; chloroplast

ACGTTGTTCAATAGAAATAAGGAACGCCAATCTTTGATAATTTGTCAGCATCGAATTGTTGCAAATGGATCT
ATTCAACGATGTAAAAGATTATAATGTCATAAAAGAATCAAGTACCCCTGATCCTCTAACCCCTGTAATCAGGCC
ATGGCAAGTA

>trans_s_6972 AM711639|Cuscuta gronovii complete chloroplast genome

TAAGTATCCCGCCTGGGGAGTACGTTTCGAAGAATGAACTCAAAGGAATAAGAGATTGCTACCAAGAAATC
ACAGTCAAAGAAGCTAAAGCTGGAAAGATCTGGATCTGCAATTGAACCATTTAGGATATAAAGAAATGAGGA
CACATTTGTGGACT

>trans_s_6973 AB077110|Prunus persica mRNA, microsatellite marker M5a

ATCAGATTCTTCCTCAGGCAAATTGAACTTAACAGATTCTTATCTTTAGGAGGAACCATAAGACTATCGCGCG
GCGTGTGTTGGTGATATTACCTCTTTGTTAGTGATGTTGTTGGACCCCTCAATTGTTGTTGTTGTTGTT
GGTGTGAA

>trans_s_6974 AB072564|Drosera sessilifolia gene for 18S rRNA, partial sequence

CAAGGATGTTTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTGGGGGCTCGAAGACGATCAGATACCGTCCTAGTCTCAACC
GTCTCCGCCGCTCTTGCGAGTAACAGCGATTTTGCCATCTACATCGAGCCACTACTACCCGACACCATGAGCCGA
TTCAGGTCAAT

>trans_s_6975 NM_001060972|Oryza sativa Japonica Group Os05g0110000 (Os05g0110000)
mRNA, complete cds

GGCTGTGTACACCGAAATGGACGGTGGGTTTAATGCGAACGGAGTTCCAAGAAGGGTTTCGTGGGCTTCGAG
AAGAAGCAGGGGAAGAGAGAGCCGTGGAATTGGACGAACATTCGTAATATATTTTCCTTCTTTGGAAGATT
AGGTCGTCTCTGG

>trans_s_6976 AF196288|Medicago sativa subsp. x varia Ser/Thr specific protein phosphatase 2A B
regulatory subunit alpha isoform mRNA, complete cds

GAGAAAGGATGGGAAGGATACTTTCAAAAACCTACCTACACGGAGTAAGCTGGAGCAGTTGAATCTTACTCC
CGCATGTCATCCTGAATACCAATACAAGACTGAATTCAGAGTCACGAACCTGAGTTTGATTACTTGTCTCAA
ACCAGACCCCTT

>trans_s_6977 XM_002879568|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CBS domain-containing protein,
mRNA

CAGGACAATCGTGCAATTATGTGCAATGCATCAAGGATTGTCGTCTCCACTGTTGCACACTCAGGATTGGGGT
CATTACCTTTTCCACCAGAGTCAACTCAGGAGAAAGATTATGTGCCACTACACGCATAAGAATATCCTTTGAAG
TGAGGATCCCC

>trans_s_6978 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

AGGCTGTCTCTGCTAGCAGTTATGAGGTCCCATCCATGAGCTCACTTGAACCTTCAGTATCTTGTTCGATGGGCTA
ACCGATGATGCTCGTGTAGATTATCAGAACCTTTCGGCTGCAGCTATATACCCACTCATATTTTGTACGAACCA
CATACGTCTA

>trans_s_6979 BT015558|Arabidopsis thaliana At4g39280 mRNA sequence

GAGAGGTGTAGGATAAGTGGGAGCCGAAAGGCGAAAGTGAAATACCGAAGATTATGTGGAGCGGGTAAAG
CAGGTCCATGAGACTGGTGGTTATGGTTCCAAAGGATATGGATATAATTGGAAAAGAGAGGAAGCGAATAA
GAACCTATGTATTTGAG

>trans_s_6980 XM_002298396|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

ACGCCAGCCTCTTTCACGAAAGGTTTCTATTCCATCATCTAGGATAAACCTTACAGGATGGTGATTGTTCTGC
GGCTTGTAATTATTTGTTTTTCTTGCATTACCGAATCACAAATCCAGTACGCAATGCATATGCTTTATGGCGTT
GCGAGTGGC

>trans_s_6981 AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

CAACTCTTTGACAACACGAAAAAACCATTGTTCAACTCTTTGACAACATGAAAAAACCAAAAAAAGCTCTGCCC
TCCCTCTCTATCTATCCAAGGGATGTGTATTCAACGAGTCTATAGCCTTGGCCGACAGGTTTAAACGGCTCCCA
GAATAAGTAG

>trans_s_6982 NM_001112441|Zea mays LOC732831 (pco105881), mRNA gb|DQ247999.1| Zea
mays UDP-glucuronic acid 4-epimerase (UGlcAE) mRNA, complete cds

TCTTTGAGAAGTGTTTCGACCCGACTGTCAGGGAGGGCGTGAAAGGGATTTGACCCTCTTCTTCATTCTACTCA
AATTCGTCTATCAAACAAGTCCAGAGGAGCGAAAGCGGCTCGACTCCCACGGGGAATAAGGGTCCGGACTAG
GAATGGGCTGGTT

>trans_s_6983 AB364653|Camellia japonica chloroplast DNA, atpl-atpH spacer region,
specimen_voucher: No. 622 (NIFS)

CAATCCTTTTTTCTCGCCTTTTTGAAACCCTTTCTTTTGAGAATTATCCACATGGAGACAATCAATCTAAATGAA
CGAATTCATTAGTCCGAATCCTTGCAGAGAAATATCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGTTGGAAGATACGC
CTAGGACAC

>trans_s_6984 NM_001073691|Oryza sativa Japonica Group Os12g0586600 (Os12g0586600)
mRNA, complete cds

GGGCATTTCGTATTTTCATGGAGTTTTGTTTTCTTTAATTGCTGTGGATCTTGGATTTGAAGGTCAGAAGGTAG
AGTAGAGATGGAAAGTTATTTGAATGAGAATTTTGGTGACGTGAAGCCGAAAACTCGTCGTCAGAAGGCTC
CTGGTGGTGGAA

>trans_s_6985 AY337616|Gossypium barbadense Gbiaa-Re (iaa-re) mRNA, complete cds

AAACATTAGGGTTTGTTTAATTTATAGGTCAATACTCCGAGAGGGAAGGTTATAAGGGATCTGATTTTGCTCC
AACTTATGAAGATAAAGATGGTGATTGGATGCTTGTGGGTGATGTTCCATGGCAAATGTTTATTTTCATCTTGC
GGAGAAGCACTC

>trans_s_6986 Novel Gene

AAAGCCAGCCGTGAAAGGGATTGAATGAGTCACAAGAGAATGAGTCAGCTCCTTCTTGACACCGTTCAGCTC
GTAAAGCTTCTACTGAGTTTCGGGAGCAATTAACTACCACGGACCGGAGAACATCACCTACTTAAAGGCGCC
CGATAAAGCGACT

>trans_s_6987 NM_122180|Arabidopsis thaliana ATCSLA02; mannan synthase/ transferase,
transferring glycosyl groups (ATCSLA02) mRNA, complete cds

ATTGGAGCTTGGATTTGCAGCATTCTTGTCTTATGTGGTTGCTATGACTTTGTTTCATGGGAAGAACAATTACT
TTATTTACCTTTCTTCAGACATTCAGCTTTCTGATCACTGGAATTGGATATGTTGGAACCATCATCCCAGCT
CCTCTTTTC

>trans_s_6988 EU922382|Monsonia speciosa ATP synthase CF0 subunit I (atpF) gene, complete
cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCCAGCAACAAATCTAATAAATCTAAGC
GTAGTGCTTGGTGTATTGATTTTTTTGGAAAGGGAGTGTTAAGTGATTTATTAGATAATCGAAAACAGAGGA
TCTTGAAAACCC

>trans_s_6989 XM_002958627|Volvox carteri f. nagariensis NADH:ubiquinone oxidoreductase 49
kDa subunit (nuo7), mRNA

AGGACTCGATTTTATGTCCAAACATCACATGCTAGCGGATGTGGTCACCATCATAGGTACTCAAGATATTGTGT
TTGGAGAGGTAGATAGATAGGACTACTAGTTGCTCGATCAGGGCCAACGCTTTATTGCGAGCCAAAAACCTCC
CATTCGTTCCG

>trans_s_6990 FM179940|Melastoma septemnerium chloroplast partial tRNA-Lys gene and matK
gene, specimen voucher BONN:T. Borsch s.n

GAATGATTCGCCGATCTAATTAGACGTAAAACATATATTAGCGTCCAGCATAAAGGAAGTCCCCTCCGAGAC
AGACCGCTTGCCCCCCTCGGACTTCGGTCGCCGACCGTCTCGTACCGCAGAACGAGAAAAGGCACACGAGG
AGGATGACATATT

>trans_s_6991 EU710845|Lotus japonicus beta-glucosidase D2 mRNA, complete cds

CGCGTTGGGTCGTAAGGGGTCGCGTCTAGACGACATGAGTCTATTGTAGTAGTCAATTCCTTCTTGATTACAC
CCACCACTCAGTTTTCCGGTTGGCAAGACTCTGGGCCAGGAAATTGAGAACCTGTAGGCATCATTTGGATATT
TAGGACGCCTG

>trans_s_6992 NM_001187800|Oryza sativa Japonica Group Os06g0291200 (Os06g0291200)
mRNA, complete cds

CCCACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCACGATGCTATGATTGAACCAAGAACAAGCTTTTTTACATCTTGCG
CTTCCGAGTGGGCGAGGGGGGACTGCTCGGGCACTCTAATGGGGTGTGTCAATGATTTGCGACCCCAGGTCA
GGCGGGTGATG

>trans_s_6993 XM_003079010|Ostreococcus tauri APEX nuclease (ISS) (Ot04g05410) mRNA, complete cds

ATAGTTCAAAGCCATCGCAAATGTTATATCATCTCAACAGCAAAGAAGTGTGCCTGTTCAAAGGGATCTGTTTA
GTGAAAATGAATTGAATGGCGAGACATCCGACCAGACTCTAGTCTCCGAGGATGAATTACAAGCTCCTCTTTC
TGACACTCTC

>trans_s_6994 AB006081|Fagus crenata mRNA for chlorophyll a/b-binding protein, complete cds

AGGGACGGAACCAAAAATACATTCCACCGTTGATCACAAGCCTTATCCACCACCTCCAACAATGGCTGCTTC
TACAATGGCTCTTCTCTCCCATCTCTGGCCGGCAAAGCCGTGAAACTCTCCCCAATTTTTTCAGGGCCTGAA
AGTCCCCC

>trans_s_6995 GQ998226|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 cytochrome c heme attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

CAAGTACTATTTTTACACAAGGTTTTGCTACTTCAGGTTTTTAACTGAAATGCATCAATCCCCACTATTAGTTCC
CGCTCTCCAATCTCATTGGTTAATGATGCACGTAAGTATGATGGTATTAGGTTATGCAGCTCTTTTATGTGGAT
CAAATTT

>trans_s_6996 GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

ACCTTTCCGGTACCTACAACAAGCGATCGGAACCTGTCGGGATTCATGATAACATCAAACACAATATGTGTCA
GTGGATTGACAGACATGAATTTCTATCGTCACCTCGCATACCGATGCTTATGAAAGTTGCTATGGTGCTTGCGC
CGCGTCGTCT

>trans_s_6997 AY968404|Coccinia sessilifolia 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACCCGACTCGTTGACAGCGCCTCGTGGTGCGACAGGGTCCGAGCGGTGCGACAGGGTCCGAGCGCAACGGG
GCTCTACCTCTCTGGGCGCCCCCTCCAGGGGACTTGTGCCCGGTCCGCCGCTGAGGACGCTTCTCCAGACT
ACAATTCGGACGT

>trans_s_6998 DQ147914|Glycine max RAV-like DNA-binding protein (RAV) mRNA, complete cds

GGAAGGGAATGCTTTTGAATTTTGAGGATATGGGAGGGAAGGTTTGGCGGTTCCGGTACTCGTATTGGAACA
GCAGCCAGAGCTATGTGTTGACCAAAGGATGGAGCAGATTCGTCAAAGATAAACTCTCAGAGCTGGAGATT
GGTTAACTCTAC

>trans_s_6999 X70783|C.nucifera organelle 16S rRNA gene

TCTCACGACACGAGCTGACGACAGCCATGCAGCACCTGTATGAAATTACCATCCGGCACCAAAGCATCTCTGC
TAAGTTCTCTGGATGTCAAGAGTAGGTAAGGTTCTTCGCGTTGCATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTG
TGCGGGCCCC

>trans_s_7000 HM122655|Malus x domestica NAC domain class transcription factor (NAC13) mRNA, complete cds

GAACCAGCCAAGTAGTCCATGAGTATCGTACCACTCTTAAAGAACTCGATGGCACTAACCTGGCCAGAGTGCC
TTTCGTTCTCTGTCGCCTATTTAAGAAACAGGATGAGAGTATAGAAGGGTCCAATGGCGCGTCCATCAGTCGA
CGATAGAGTAG

>trans_s_7001 BT010331|Arabidopsis thaliana At3g62310 mRNA, complete cds

CTCCTAGAAATGGGGGCCCACTCATTATTTCCCAAGCTTCGTTAGATTCCCATCATCATCCAATGCACCTAAGT
AATTCAGAACTTCTAAAGCCCGCATCAATGTCTCGGGAGCAGGTGGATCCATAAAATCAAAATGCACAAGGTC
ATCAATTCC

>trans_s_7002 AJ271020|Takakia lepidozoides partial 25S rRNA gene for 25S ribosomal RNA

GTCAATCTCGGTGCTGATGAGTTGGAGAACAACGTTCTGGCCAATCCTATCAGTGAGAGCATCCAAATGCTTA
ACAATAGTTTTTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTT
TTAGGGAGTCC

>trans_s_7003 M14418|Tobacco (N.tabacum) GapB mRNA encoding B-subunit of chloroplast
glyceradehyde-3-phosphate dehydrogenase

CCTGCGGTGCTGGCATGGCAGGAAAGATTACCTCTTGACGTTGTTGTCGTCATGACAGCGGTGGCGTCAA
GAATGCCTCCCACTTGCTAAAGTATGATTCCATGCTGGGAACCTTCAAAGCAGAAAGTAAAATTGTAGACAAT
GAAACCATATCT

>trans_s_7004 EU127480|Solanum tuberosum acireductone dioxygenase (ARD) mRNA, complete
cds

GCGTTGCCTTTCAGCAATCGAATTTGATTGGGATTTTTTCATCTCTTTTTCTCTCAAGCTGAGGCTGAAGGTTGT
AGTTGACGATGGCTGTTCTCGACAAGGATCCAAGGGAGGAAGTGATTCAGGCATGGTATATGGATAGCGAA
GGAGCATAAAC

>trans_s_7005 AB182918|Citrullus lanatus CLMT2 mRNA for type-2 metallothionein, complete cds

ACTCTTTGCTTTTGCGAACCTCCAAAATATTATGTTATTAAGAAGGATGCATACTATTAGTACTCGAACACAATC
TCCACTTAAGAAGATTCGAGCTGTTTTTGCTGCTGCTGCTCATTTACAGGTGCATGGATCGCAGGTGCAGT
TGTCACCG

>trans_s_7006 GQ997518|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333
ribosomal protein L22 (rpl22) gene, complete cds; chloroplast

GTCTGGCGGGTATACATAACATGTTTCGATAAGGCATGAGTTCGAGTATCATCATTGTTTCTTCGTAGGAACGT
CCACGAATCTGATCAATTACTCTTCGCGCTTTGTGAGGGGACATACATATATGTTGACCTAAAGCGTATACTTC
AGATTGATTT

>trans_s_7007 NM_122026|Arabidopsis thaliana binding (AT5G20190) mRNA, complete cds

TAGGAACCTCTCACCTTTTGAGTTTCCCATATCAGATCAGCGTACATGGACAAGACGTTACCATCCTCCGGATT
GTTCAAAATTGCTCTCCACAATACTCTTGAGCTTTCACAAGATCCCCACGTACCTCTTCAAGAAACGAGCATA
ATTGCTTA

>trans_s_7008 DQ988170|Brassica napus 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; and tRNA-Ile
(trnI) genes and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; chloroplast

AGCAAGTTGGCCCTTGCGAACAGCTTGATGCACTATCTCCCTTCAACCCTTTGAGCGAAATGCGGCAAAAGGA
AGGAAAATCCATGGACCGACCCCATCGTCTCCACCCACGAAGGTCGTAGAGCTGTTTTGGAAGTATTCTAA
CGCTTGAAAAC

>trans_s_7009 Novel Gene

GGTCCCCTCCAGTATCCGCTTTGATTCATGCAGCTACTATGGTCACAGCTGGCGTTTTTCATGATAGCAAGGTG
CTCCCCTTTATTTGAATACTCACCTACGGCTTTGATTGTTATTACTTTTGCAGGAGCTATGACCTCATTCTTGCG
GCAACCA

>trans_s_7010 NM_001064414|Oryza sativa Japonica Group Os06g0563300 (Os06g0563300)
mRNA, complete cds

CATGGGAATTTGTCTAGAGAATATGGAAATGAGCAAGGTAGCCAGTAAAGACATTCATGACATGATTGCTGAT
CAAGACAACACTTCTCGAAGAAGATGCCGAAAGGTGTATGCTCATGCTCACGATATATTATAATTAAGGTAAA
GATTGACGCTGT

>trans_s_7011 X15936|Pea PSU2 gene for U2 snRNA

CAACTACCCGGGAGGGGGAAGAAAAATTAATTTAATATCATGTGAGCCGATGGCCACGTATCAGATATTAA
ACTGATAAGAACAGATACTACACTTGATCTTAGCCAAAAGGCCGAGAAAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCAT
CGCAATGCTTTGT

>trans_s_7012 NM_001084252|Arabidopsis thaliana RNA binding / ribonuclease III (AT1G55140)
mRNA, complete cds

CATGAGTAAAGGAGATAATGTTGAATAAGAGTTTTTTGGAGTTTGGATTTGTTGGAAATGACTATAACCATGTG
AGATGGAAGGAAGATAACTTAGGATGAGAGAATCGTGGATTGAAGTGATTGAACCTTCAATTTCTATTGAA
GATGTCTAAACA

>trans_s_7013 EU016365|Vitis vinifera neutral invertase (NIN1) mRNA, complete cds

AAATCAGTCGACGTCGGCCGAGTCTTATGTCAAACAGAAGAGTTTTGACGCAATCTATATTAATGGAGGGTTT
AAGGTAAAGCCATTGGAGATTGAGAGTATTGAGACGGGTCATGATATTGTTAAAGAAGATAAAAAGGTGTCT
GAGGTTGAGGGA

>trans_s_7014 X58118|F.ananassa 26s rRNA gene

GAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTCGAAGTTCGCCGAACCTA
TGAGAAGAGACCCCAAAGGGGGCAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCT
TCCCCCTCTTC

>trans_s_7015 HM235957|Galega orientalis Ca²⁺/H⁺-exchanging protein (CAX) mRNA, complete
cds

TACCCTATTCCAATCAAAAACACAAAAACATGGCTTCCCAAACAGAGCCTTGGCTGATGGAAAATGGAACCTT
CAAGCGCCTAACCAAAGAGCATCGACACGGCCATGGTGAACAGCTCACAACATGTCTCCGACACTACAACCT
TCTTAGAGCGG

>trans_s_7016 AB006081|Fagus crenata mRNA for chlorophyll a/b-binding protein, complete cds

AGGGACGGAACCAACAAAAATACATTCCACCGTTGATCACAAGCCTTATTCCACCACCTCCAACAATGGCTGCTTC
TACAATGGCTCTTTCTCCCATCTCTGGCCGGCAAAGCCGTGAAACTCTCCCCAATTTTTCTTTAAGTCCC
TTGAAAAA

>trans_s_7017 tpg|BK000867.1|TPA_inf: *Oryza sativa* transposon Rim2-M281, complete sequence

GCATTTATGCCGGAGACGTCGCCAGTGCTATGGGTTTTGCCTTATGTAGATCCAAAATGATGAATGGGATTGT
GGCACTTCACTCGCCGCAATGCGGAAGGATGCCGCCGAATTCTTACCTTGCACGAAACGAGACGACCTAC
GCACGGATAAAT

>trans_s_7018 EU002495|*Datisca cannabina* RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

AATGTATGTATAGCCAAAAATAGACCACACCTAAAATCGGGTCAAATTATAATTGTTGAAGTTGATTCTGTAGT
AATAAGATCAGCTAAGCCTTATTGGCCACTTCAGGAGCAACTGTTTCATCGCCACCGCGGCGACATGCAAATG
TGGAACAGCG

>trans_s_7019 GQ998423|*Heuchera sanguinea* voucher FLAS:M.J. Moore 329 ribosomal protein
S16 (rps16) gene, complete cds; chloroplast

AAGGACTAGGCTTTTATCATTCTTCTGAAAGAGAGATGTCCTGGACCACTAGACGATGGGGGCCGGGATCCTT
TATCCTTTCCTTGAATCATTAGGTTTAGACATTACTTCGGTGATCTTAATCGTTTCAAATGGTAGCAACATAC
CACAGGGTG

>trans_s_7020 AF230211|*Cucumis melo* translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

CCTCAGGAGCAACCTTCCATGGACAAAAAGGTTTTCTCTCATGCATCAAGAAGTATATCAAAAAATTGACACC
TTTGCTGCAAGGAGAGCAACTTCTCTACGGGCCTCTATTTAACTCCCTCTGACCGGACGTTTCATCCTGTTTCCA
GTTCTCTGA

>trans_s_7021 AB237405|*Euonymus oxyphyllus* chloroplast rpl16 gene, partial sequence, isolate:
BTURI298

AAAAATACATGTATTTACTGATATTTTCTGAATAATAGATTCAATTATGGGATTTTTGATATTTCAATTAATCAA
TCTATTCGAAATTTGTCATATCTCTTTCTTTTGATAGAAAACTAACTGTTTATAGATTCTAGAATAATAGAAT
AAGTTT

>trans_s_7022 XM_002882842|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* CYP72A15, mRNA

AATAAATGATATTCGTAAGACATCTTCGTTTCCCCTTAGACGAAGAATGGGCAGTGGACTTGTAACCTCTGGAG
GGATCTAAATGGGCTAAACATAGAAAAATCATCAACCCTGCTTTTCACATGGAGAAGTTAAAGGAAATGTTTC
CGGCATTCTGT

>trans_s_7023 XM_002886824|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* ATPase subunit I, mRNA

CAAAAATTAGCGGCTCTTCCAAAAGGCGTGAATGCAAATAAAAAACATCTCCCGGATAAGCTTCGCGGCCCCG
GCGGTCTTCGTAAAAGAAGAGACATTTGTCGATAAGCTTGCTGTTTGGAGAGATCATCATAAATGATTAA
AGTGTGTTGT

>trans_s_7024 GQ997883|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 photosystem II protein D1 (psbA) gene, complete cds; chloroplast

TCAATACTGTAAATTAAGTATCGTTCTCGTCTCCATTCTTCGTCACATTGTTGGAACATATATTGAATATGTAT
CAATATGGAAATATTTGGCACATGGAGCCGTGATCTTCAATATCTACTGGAGGAGCAGCAATGAAGGCAATA
ATAAATACA

>trans_s_7025 GQ998024|Bulnesia arborea voucher FLAS:M.J. Moore 334 cytochrome f protein (petA) gene, complete cds; chloroplast

GCAAAAAAGAACAAAAGGCCTTGGACACGTAATGGATCTTGAAGGACGATTTCCGCATCTCCCTGACCAAATC
CTCCACATTAGGATTACTCGTTAATGGTTGAATTTTCATGGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAG
TCGTTGTTAG

>trans_s_7026 NM_001186600|Oryza sativa Japonica Group Os03g0603700 (Os03g0603700)
mRNA, complete cds

GCATTGCTAGACCCGTGACAGAAATGCCTCTTTGAGTAGCCGTGTGAACATAATTTAGGGTTTCATATTGTGCT
TAGTTAGGAGGCAGACAGCAAAGTGTTCATCTCGAGGCCTATTGAGAGGATTTTCAACAACGACTCTC
GGCAACGG

>trans_s_7027 GU295062|Gossypium hirsutum eukaryotic translation initiation factor 5A mRNA,
complete cds

GCAAATCCCTCCTTAATCTGTTTGAGCAGGTTATCATCAGTTGGAAGTCTCAAATCATCCTTGGTATCACCCTG
TCAGTTAAAGACTCACAAATCCATCCTCAGAGATACCGATCTCTACGCATTTACCGCTCCACCGGAAATTCC
CTCTGCC

>trans_s_7028 GU066251|Rhizanthella gardneri isolate North 16S ribosomal RNA gene, partial
sequence; 23S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 4.5S ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

GAGGGAAACAGCCCGGATCACCAGCTAAGGCCCTAAATGACCGCTAAGCCTCTGTTCTCATAGTCCTCGGTG
CTTGAGATCATTATCTCTCCGCCGCGAAGAACAGTGAGGTATAGTGAAGGCCGAGATATCGTTTCAGTCGTC
ATTTGTTATC

>trans_s_7029 EF372516|Klebsormidium mucosum strain SAG 8.96 18S ribosomal RNA gene,
partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed
spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAGTTGGCTGATAACTGCACCGGCTTACAAGGATTTCTAGTCTTCAATGCTGTTGGTGGTGGCACTGGTTCTG
GTCTGGGTTTCGTTGTTGTTAGAGCGCTTGTCAGTGATTATGGGAAAAATCAAAGCTTGTTTCACTATCTAC
CCATCCCT

>trans_s_7030 AF479121|Hydnocarpus heterophylla 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

ACATGGGTTAGTCGATCCTAAAGGTGATTTTCTCGGGCTGTCTGCCGCGACAGCGCGAACTTCGAAAGGG
AATCGGGTTAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCTAAATTCATGGCCGCC
CCGGAGCCCT

>trans_s_7031 Novel Gene

TTCCACCTCTATATCATCAACTTCTTCCATTTGTCTAGGAAAGCTAGCCATGCTTTATGGTTCAGACTCTCAGGG
TGAAATGCTTTGAGATCGTAAAGACTGTAATATTCCTCAATAAGGAAGAATCGTCGTGATTTATGACTTCGGA
AAGTACTT

>trans_s_7032 HQ448762|Hemitomes congestum voucher Bidartondo s.n. 18S ribosomal RNA
gene, partial sequence

TTTCCCCAGGCTGTTTCACAAAGTCCCACTCAAGCCCGATCCAATCCTCTTTCAATCTCGATCCGAAGCCCGAA
GGTCCCCCTTTTCTTCAGAACAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGC
CAACAGA

>trans_s_7033 DQ490924|Lindera sp. Zhou 200491 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGTAATCTTTTGAAATTTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCACATCTTCCGGAAGCT
GCCTCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTGTACACACATAAATGATACTTCCAAGGCGG
TTAGCTGA

>trans_s_7034 Novel Gene

CCCACTCCCGAACCCGTTTCAATCTACTTTACTCTTTCAGATCAAGACTAAGATTAATAGAATAACTGTACCTAC
ATTAATTCACACCCCTTAATATTTAATTAGGAATTGATTATACATTTTTTTTCTGGTCAGATCAGCGGATGACG
AGGGGA

>trans_s_7035 GQ910705|Asterella africana isolate Schill 18 26S large subunit ribosomal RNA gene,
partial sequence

AAATGAGCTGTAGCTGGTTCCTCCGAAGTTTCCCTCAGGATAGCTGAGAGGAGAGGAGAGAGAGAGAGTA
AAGCGAATGATTAGAGGCCTTGGGGTGAAACAACCTTAACCTATTCTCAAACTTTAAATATGTAAGAAGCTT
CCACCAACCGAC

>trans_s_7036 GQ997925|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 23S ribosomal RNA
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

AATTTTTTTTGCATTAAAGCGGGCGAGGCTCAGATACTTGATGGGTAAAGACTATCCCCGACAGCACAAAGG
TCTCATCGAGCTGGGATTATCAAACATCATCAAAGCAGAAAGATTATTTAGGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGG
CTGTTTCCT

>trans_s_7037 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CAAGCTCTTCCATCTGGTGAAGTAAATGAGAATCCTCCATTGGTTCAGCCTGAGCAGAGTCAGCAGACAACAG
AAGCAGAAGATGAAGATGATTTTCATGGTACCGGTATACAACCAATCGAGGATGGGTAAAAGTGGAGTTCAAA
ATAGTGACCAC

>trans_s_7038 XM_002871173|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATUBA2, mRNA

AGAATCTGGTACTCTTGGTGCTAAATGCAATACTCAAATGGTCATTCTCACCTGACTGAAAATATGGTGTCAT
CAAGAGACCCACCTGAGAAACAAGCCCCCATGTGTACTGTGCATTTCATTCCACACAACATCGATCACTGTTTG
TGAACCCG

>trans_s_7039 AB029148|Cucumis sativus mRNA expressed in cucumber hypocotyls, complete cds

AAGGATTTTCATGAATGAAAGTAAGTTGATGGATCTTTTAAGTGGCTCTGATTATGTTCCAACCTTATGAAGACAA
AGATGGTGATTGGATGCTTGTTGGAGATGTTCCATGGGAGATGTTTGTTGAATCTTGCAAACGTGTACGTATC
ATGAAAGGA

>trans_s_7040 AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

CACGTATTCATTTTCATGCTCTCTTCTTATGCTCCTGTGATTTCTTCTGCAAAAGCTTACCATGAGCAGCTATCCGT
CCCTGAAATTACCAACGCTGTATTTGATCCCTCAAGCATGATGGTCAAGTGCGACAAGCTGCATGAGGGACGT
GCCCCGA

>trans_s_7041 Novel Gene

TGAACAAGTCCAAGGAATTAGATGGAACCGCGGAGTGGGACCGGGAACATTCAGGTTTCAGTTCCATAAACA
AGTCCTTCGGTGGGATGGATAAAACCTTTTTTTTGGAGATACCCGGGAACAACCTCCTAGGTCAGCCGGAAGC
TCCCGAGGTTTC

>trans_s_7042 HQ270475|Amaranthus retroflexus pollen allergen MetE mRNA, partial cds

GGAGGGTTCGTCGTGAATACAAAGCTAACAAGATCTCTGAGGAGGAATATGTGAAGGCAATCAAGGAAGAA
ATTAGCAAGGTTGTCAAGCTCCAGGAAGAGCTCGACATTGATGTCCTGGTTCATGGAGAGCCCCGAGAGAAAC
GATATGGTTGAAT

>trans_s_7043 XM_002874944|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATSTE24, mRNA

AAAGCAACACACCGTCGACCTCTGTTCTTTTCATAGCTCCGGCGATCGATTAACCTCTTTTAGCCATGGAA
TTTCCGTACATGGAAGCTGTTGTTGGTTTCATGATTTTAATGTATATTTTGAACCTTATTTGGATCTTCGGCAA
CACACA

>trans_s_7044 NM_001070876|Oryza sativa Japonica Group Os10g0321700 (Os10g0321700)
mRNA, complete cds

CCGTTCCAGTTTGTCTCTCTGTCAAGCTGTACGATGGATGTCTTCCATGGAAAGTTCAAAGTTTTTGTCTGGAG
GTATTTCTGTTTCAGCACTGATGATCAAAGTCTCAGGGAAGCCTTTACCAATATACCCCTTGTAGGATCCTATAGG
GTCATATG

>trans_s_7045 GU171913|Ipomoea batatas microsatellite Stv_lpb_1339 sequence

GACTTCTGATAATAAGTTAAATGTGGACTTTTCAAGGAAAAATATAAATAGAGGGTGAGAGCCCCGTTGCGCT
CGGACCCTGTCGCACCACGAGGCGCTGTCAACGAGTCGGGTTGTTTGGGAATGCAGCCCCACGATTTATTGTT
TAAGACAGGT

>trans_s_7046 XM_002886015|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATTOC132/TOC132, mRNA

GTATATTTCTGGGCTCTGCTCTATTAAATGATCTTTCCCATCTAATGCCTCCTCAAAAACATCTTCCCCTTCCGTAT
CCTTAGATTCATGAGAACCACCACTACAACGTTCATCTACCCATCTCGTGAAACACCATCTCCTACAAACTCT
TCTCT

>trans_s_7047 AJ319873|Nicotiana tabacum mRNA for carbamoyl phosphate synthase small subunit

CCCGAGGGCGTTGAAGTAACCCACATCAATCTTAATGATGGAAGCTGTGCTGGCCTTGCTTTCCCAAAGCTAA
AGATTATGTCTCTTCAATACCCGGAAGCATCCCCGGGACCTCATGATTCTGACTCTGTTTTGGAGATTTC
ATAGCACCT

>trans_s_7048 XM_003079839|Ostreococcus tauri multifunctional aminoacyl-tRNA ligase-like protein (ISS) (Ot06g02740) mRNA, partial cds

GAGGTTCTCTACTACGTCCGGAGCCCTTGTGTGAAGCAAATGATAGGGAGAAAAGTCATCCGAGAAGACGAG
ATCTTGAATATGGATTGAACAAGTCCTTCGGACCCCGTAGTAGGACTTTCTTATTCCACTTGTTCTTTATTA
GCTCTTCGT

>trans_s_7049 EU491511|Panicum virgatum 4-coumarate coenzyme A ligase 1 (4CL1) mRNA, complete cds

ATTTTCTCGTAGCTCGCGTTTGATACCGGACGGGATGGGCTCCAACCCCTACCTTTCCACAGCAAGTTTAAGG
AGAAAAACGTGCACTGGACGCTTATCCAAAGCTGCACTCCTCCGAAATCGCCCCAAGCACGTGGCCCCATTTC
GGTAGTAGA

>trans_s_7050 Novel Gene

TTCCACCTCTATATCATCAACTTCTCCATTTGTCTAGGAAAGCTAGCCATGCTTTATGGTTCAGACTCTCAGGG
TGAAATGCTTTGAGATCGTAAAGACTGTAATATTCCTCAATAAGGAAGAATCGTCGTGATTTATGACTTCGGA
AAGTACTT

>trans_s_7051 AF479109|Begonia metallica x Begonia sanguinea 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AATATTTAGAGATATGTCCCGGAACGGAGTTTCCCTATGGCTTAGGATCGTGATTGGGCACAGGTTGACGACA
AGTGTGGGAACCTTTCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGCTACTACCACCAAGATCTGCAC
CGACGGCC

>trans_s_7052 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

GTCACTACTGATCTACACTACAGAGCACCCAAGTGGACTCCTATAACGAGCGAAACCCTCGTTTTGTGTTGCTG
AGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGCAACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCTCCGAAGGGTACTCATCAGGC
CCGCATCTCG

>trans_s_7053 AY108556|Zea mays PCO091212 mRNA sequence

AAGTATAGGCGATAGAAATTGAAACCTGGCGCAATAGATATAGTACCGCAAGGGAAAGATGAAAAATTATAA
CCAAGCATAATATAGCAAGGACTAACCCCTATACCTTCTGCATAATGAATTAAGTAACTAGAAATAACTTTGCAAGGA
GAGGGTTTTA

>trans_s_7054 EU808011|Vitis amurensis 2,3-bisphosphoglycerate-independent phosphoglycerate mutase (PGM) mRNA, partial cds

AATGATCTTGCCAAATTACGTGAGAAAGGGATTGATGCACAAATAGCATCTGGTGGAGGCCGTATGTATGTG
ACTATGGATCGTTATGAGAACGATTGGGAAGTTGTGAAGCGAGGATGGGATGCACAAGTGCTTGGTGAAGC
ACCACACAAATTC

>trans_s_7055 GQ998024|Bulnesia arborea voucher FLAS:M.J. Moore 334 cytochrome f protein
(petA) gene, complete cds; chloroplast

GCAAAAAAGAACAAAAGGCCTTGGACACGTAATGGATCTTGAAGGACGATTCCGCATCTCCCTGACCAAATC
CTCCACATTAGGATTACTCGTTAATGGTTGATCAAGTTTGGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAG
TCGTTGTTAG

>trans_s_7056 EU264401|Melicope ternata xanthine dehydrogenase (Xdh) gene, partial cds

AAGAAAACCAAGACTGATTTGGAATCGCAAAAACCCGCTGAATTGAATTACTTGAAGAAAACCTTGCAAGTCA
GCATCCATCATTCTGAGGAGCCTTTCAAGTTGGAGAAGGGAAATCGTCTACTCTAGACGTTGCACGGAGTGC
AAACGAGTCT

>trans_s_7057 AB554221|Glycine max GmGla mRNA for GIGANTEA, complete cds, cultivar:
Moshidou Gong 503

ACTTCTACTTCCTCCACCAACTACAGCTTTAGATGAGCATCTAGTTGCTGGGCTACCTGCTTTGGAGCCTTATGC
ACGGTTATTTACAGGTATTATGCTATTGCTACTCCAAGTGCTACTCAAAGACTTCTTCTTGGGCTTTTATAAGA
GTTGTG

>trans_s_7058 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

CCGGTGGCTCACTTTTTCTAAGTAATGGGGAAGAGGACCGAATGTACGGTGACTTTCTGAGATGACTCTGTTT
CTACCCGACAGTTCTTGCATCTCCTCCATCCTACCCGTCAACCAGTCTAGATCATACCTAGCATGTACCTGCCAT
CAACCTCC

>trans_s_7059 DQ535800|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon ribulose-1,5-
biphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

CCCAGGAGGAACCTACCGTCGGTGACCCGTCCTTGTTGTGGGTAATGTATTTGGATTCAAGGCTCTACGT
GCTCTACGTCTGGAGGATTGCGAATCCCTACCGCTGCGCGGCCCCAGGGACAAGGGGGTGGAGTACCATAA
ACTTGACTTT

>trans_s_7060 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TAATTGCCACGATGTACACACTATTTGAAATGCGGAAAATGCAGCAGTCCAGTACTGCAAGACAAGGAAGAA
TTAGGCGACAATTACTGAGTAGACTTTGGAACCACTCAACGGTTGGCACTAAACACGAGGGTTGCGCTCGTT
GCGGGACTTA

>trans_s_7061 AY628139|Gossypium hirsutum cultivar Siokra L23 trehalose 6-phosphate synthase
mRNA, complete cds

AAATGGTGCTTCAGTTTAGATGAGGATTCAATTTTATTGCAGCTAAAGAATGGTTTTTACCTGAGATGGAGG
TTATATACATTGGTTCCCTCAAGGTTGAAATCGACCCAGCGAGCAGGAGGAGGTTGCTCAGAACTGTTCGA
CAATCCCC

>trans_s_7062 XM_002894170|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata U-box domain-containing protein, mRNA

AACCGGACAGGTAGTGTTCGGGTGGCAACCCATGACTCGATACTTGAACGGTCGTAAGTCTGACCGGTGCTG
ACGGTAACAGGATCACGCATGAGCTCAAGAGAAATGGGGCATCTGAAATGGTATGGAATGTGTAGGCTCAA
ATCCAAAGGTT

>trans_s_7063 EU836688|Glycine max nematode resistance HS1pro1 protein (HS1pro1) mRNA, complete cds

GGATTAGATGGAAGAGGAAGCTTGAGTCTCTTACCACCACTCAGATCCAACCTATTGCTATGATTTGTGAAGA
CGACGAAGAGGACGGTGAATCACGCGGTAGAGTTCCGATTGTTGATCTGAGTTCATCAGACGGTATGGTTAC
TCGCGACGCT

>trans_s_7064 Novel Gene

AAGTGAATTACTAGTTGAAGTTCATCAAGCAAGAGAACAAAGTATTGATAGAAAAAGAGAGAAACGAATCCTT
AGAACCTCCAAAGAATAAGGAGCAATCAGATGAAGCTATTTCCCAAGAGAAGCTCAGGAGGACTGTGGTGGA
TGAAACCAATC

>trans_s_7065 EU002149|Euonymus americanus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGGTACACGTTTGGCTGATCGAAGCGAGAGTGGGGGAAACCCAGACTGTAAGCGCGACAGCGCGAACTTC
GAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCCTAAGGCCTCTGC
AACCGCCCCCGG

>trans_s_7066 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTAAGGAACTCGGCAGAATAGCCCTTCATTTAGCAGCAC
CTTAGGATGGCATAGCCTTAAAGTTAAGGGCGAGGTTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAGGCA
CCCAGAGTGT

>trans_s_7067 X14419|Tomato U1 small nuclear RNA gene U1.8

TGGGCCGTGACGTAGGCTCTGCACAGGTGGGCAGACCTTAGACGGGCACCCTTAACGTGTGCAATGGAGGTC
ACCAACCTAGGCCATGGATCTTCTTGATCGCCATAGAGAGTTGTCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTACCTACC
CACCTGTGT

>trans_s_7068 AY366932|Raphanus sativus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAATAATATAAAGAAGCAGACGCGGGGCCTGGCTCTTGCCCCGACGGCCGGGTATAGGTCGCGCGCGGACTA
TAACGAACGGGGATTTTAGCTGGTCGGATTACTTGTGACCACCGTGTGTCTCTTAGCGGATTTCGACTTCCATG
ACCACCGTC

>trans_s_7069 CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

TCTTTTGGAGAGCTCTACTCGACTGGAGAGAAGGGAAGAATCAGACTTCCAGAACTCAGTTTCCTCAGACAG
AGTACACGAAAGGGTCGATGAAATTGAGGACTTTTGTACGAGAGGAGGGAACCGAGAGCTAAGAAGG
GGGTCGGAATC

>trans_s_7070 NM_179487|Arabidopsis thaliana LOS1; copper ion binding / translation elongation
factor/ translation factor, nucleic acid binding (LOS1) mRNA, complete cds

TCTGATCACAAGAGAATCTGTGAGAGTGGACTTCCCATGATCGACGTGAGCAATAACAGACATATTACGAATG
TTATGCTTATAGTCCATAATCCGACGAAGCTCCTCGGCTGTAACTTAACCATCTTGACAAGTCTTCAAATTTCC
TGATGTC

>trans_s_7071 AY454432|Phaeophila dendroides isolate WA1.15D small subunit ribosomal RNA
gene, partial sequence

AGAGAATAAAGCTTTTATATCTCACCAGAGAGAGCCTCTTGAGCCGTCTTTAGAATCGCCTAAAGTCACTCTAA
AAAGATAGTTACTAGACTAACAATGTGTGTGACTTCGGATAAGGACTCCGCCAGCACCTTATGAGAAATCAAA
GTCTTTGG

>trans_s_7072 FM204663|Silene conica partial xy1 gene for SIX1/Y1-like protein, exons 2-15,
specimen voucher Erixon 70

CGGGAAAAGGATTGTAGAGTCTCTTGCCAAAGGAAATCAATGAAATTCCATAAATCAGTCCGACTATCGGTCA
AATCAGAGAAAAAGCTCAGCTGATCTTCTTCTTCTTGAGAGGTGCGAAGCTGGAAATCGATGATTTGCTCTC
CACGCTTC

>trans_s_7073 XM_002323449|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,
ABC transporter family, mRNA

GTTTGTTTTGCAGTGGCGCCTATCTTGTCTTGTAGCTGTCTTCCCCGTGGTCGTTGCTGCCACCGTTCTACA
GAAAATGTTTCATGACTGGTTTTTCAGGAGACCTTGAGGCCAACCATGCCAAGGCCACACAGCTAGCAGGGGA
GGCAATAG

>trans_s_7074 EU812563|Hordeum vulgare subsp. vulgare Rpg4 gene, complete sequence; RGA1
(RGA1) gene, complete cds; Rpg5 gene, complete sequence; PP2C (PP2C) gene, complete cds; and
ADF3 gene, complete sequence

TTGGTCTTTTGTCTGTCATATTCCTAATAACTTATCCAATTACAACGTATTAACCGCGAATGCACCTTTCTTTTA
TCAAATCTCAGGGACATGGTCTAATCATGAGGGTAGTATTTTATTATGGTGTGGATCCTAAGTTTTTATGGAT
TCCTT

>trans_s_7075 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

ACAAGGACCGGACCGACGGTCGCATACACAGCGGACTGCATCGACAACCGCAGCAGCATACTCTTCGAGTCC
ATAAGCAACAGATAACTCAGAGTCCGAAGACTTCGACCCGTCATAGTCAATACCCAGACCACCTCCAATGTCA
ATAACACGCA

>trans_s_7076 FJ895893|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf1 (ycf1) gene, partial cds;
chloroplast

GGAGGCTAGCATGATCTCTAGGAGGAAGAGATAAGAGGGCCCTATGGAGAATGTGGTCAGAAATCCATAAT
AGAGTCCGACCACAACGACCGAATTGATTATCTTCATGCATAAGGATACTAGATTACCTAGTATAACCTCGCCC
TTTTAGTCAC

>trans_s_7077 EU750016|*Persicaria maculosa* voucher OAC:JAG128 23S ribosomal RNA gene,
partial sequence; chloroplast

AAAGGGAAGTGCAGCTTAGGTGGAAGGCGAGAGGATAAAAAAAGGCCCCCGGGTTCGGGTCAAGTGA
GATACCACTCTGGAAGAGCTAGAATTCTAACCTTGTGTCAGGACCTGTAAATTGGAAAGTGAAGTCTGAACGAG
TGACCAGACGTT

>trans_s_7078 Novel Gene

CGACTCTCGGCAACGGATATGGCTATGATTATATATTTATCCGCGCTCCGAGGTTAAACAATGAAGCTAGACT
AAATGAAAGGTTGAATTTCTTAGTATGAGCCAGACGGTGATGAGTCTATCAGACCTGTTATGATTTGCGAATA
TGATCGCA

>trans_s_7079 AB029148|*Cucumis sativus* mRNA expressed in cucumber hypocotyls, complete cds

AGCATGGATGGCGCCCCATATCTGCGTAAGGTGGACTTGAAGATGTACAAGAGCTATAAACAACTCTCTGATG
CTCTTGCTGCCATGTTTGTTTCCTTACCACCATTGGCAACTGTGGATCTCATCTTTACTTCGATTACCTACGC
GTCATCC

>trans_s_7080 NM_001065526|*Oryza sativa* Japonica Group Os07g0170300 (Os07g0170300)
mRNA, complete cds

ACGAGGAATTTCTAAAATTGGTAGATAAGGCCAGGCTCCAGCTTGACCTCCTGTGTGTCTCTGCTATTGGTAAC
GGGCTTGTTCTCATTGTTTTCAAGAATGATGTGTTTCAAAAGACTGTTGGGAACATCCTTCACTACATGCCACT
TAACAGG

>trans_s_7081 FJ388886|*Medicago truncatula* plastid carbamoylphosphate synthetase large
subunit (CPSI) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

TCGTTTGCTCTACACCTACAGTTTTATACTACAATCATGATGAACTCAAATCCTGAAACAGTATCAACTGATTA
TGATACAAGTGATCGGCTGTACTTTGAACCCTTGACGGTTGAAGATGTTTTAACGTTATTGATTTAGAACGTC
CAGACG

>trans_s_7082 NR_023046|*Arabidopsis thaliana* (AT4G34332) otherRNA

AATTGAGTGATGCTACTAAATGCAGCACAGATGTAACAAAGGCAAGAGAAGTCATTCTTCAGAAAATAGC
AAGGCAATCTAACAGCTGATAACACAACCTCTTCAATCAGATTTGCTTCTACGGCTCATCAGTTCTAAAAATTTT
CGGGACG

>trans_s_7083 XM_002303962|*Populus trichocarpa* tubulin alpha-2 chain (TUA2), mRNA

CAACACGTTTTTCAGCGAAACTGGTTCGGGCAAGCATGTTCTAGAGCAATATTTGTGGATCTGGAACCAACT
GTTATCGATGAAGTAAGGACTGGGACATACCGACAGCTTTCCATCCGGAACAGCTCATATCTGTGCCCTCCTC
GTAGTACC

>trans_s_7084 AF364866|*Helianthus annuus* carbohydrate oxidase mRNA, complete cds

AGGGTAGGGCTTCTGGTACATAGCCGGACTTGTTTGTTTCAGACTTTGAGATGATGTGTTGATGTCACTCTTGCC
AGTTGTTTTGGGTTGTCCAAATAAATGTTAAAGATGATGGTGTCACTAAACAGACCACTTTGGTTGGTGTACCC
TCCCCCT

>trans_s_7085 Novel Gene

TCTATTATCCCTATGAAGACGTCGATAGCCAAACGTGAAAATGGGTATTTGGGAAGCTGCTTCCGTTGATGAA
TGGTTATACAACGGTGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCATGTTACATGGGTGCG
AGTCACCC

>trans_s_7086 AF279248|Vigna radiata LHCl type II chlorophyll a/b-binding protein (CipLhcb2)
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TGCGGACCACGAGTCTATATAAGGTTAATCACTTAAATTTGCCGAGGGAGGGCCCTGCTACAGCAAAAAGCGA
GCTGCCATGGCCACCAACTCCTGTGCTCCTTAAGGATCATTGTTAGGTTGCCTTTCCAAACAATTCTAATGCT
ATCCAATAG

>trans_s_7087 EF207451|Paeonia brownii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TTTGGGAGAACTTCCGATCCAGTTCCTCCACCACCGCGAACCCAGTCAGATTCAGGCATGATACACTTTTTA
GTTATTGGGAGAACCAAGTACTCTCTTCGGATCCAGGAAACAGCTCTCAGAGATCTTTTTCTTTTGAAG
AGACAGG

>trans_s_7088 NM_001190097|Oryza sativa Japonica Group Os12g0578300 (Os12g0578300)
mRNA, complete cds

AACGAGACTGAAATTAGAACTGACAACATACTATCTGACACTTCATCAAATTCCATTGTGGGCACTGAGGAGA
CAAGACTGCTATCCTATGGTGATTCATCAGCTGAGTTAGATGGTAATATTCTAATCTGCTTTTTTCATGTCATACT
TTCTCTT

>trans_s_7089 AF470320|Musa acuminata aspartate aminotransferase 2 mRNA, partial cds

ACACCTGGTGATTGGAGTCACATCATCAAACAGATTGGAATGTTTACATTCACAGGATTGAACTCGGAACAAG
TTAGCTTCATGACCAAAGAATATCACATTTACATGACCTCTGATGGGAGAATCAGCATGGCAGGTTTGAGCTC
AAGGACCGT

>trans_s_7090 NM_001057480|Oryza sativa Japonica Group Os03g0689100 (Os03g0689100)
mRNA, complete cds

AGGTGTCTTCTTCGCCAATGAGACAGATATTAGATAGATTGGAGGCCTTTGGTGAATTTGAGATAGTAGTATT
TGGGGACAAGGTCATTCTTGAAGAACCAATAGAGAGATGGCCAGACTGTGATTGCTTGATTGCCTTTTGAGAT
CCAATGATC

>trans_s_7091 XM_001689391|Chlamydomonas reinhardtii potassium channel
(CHLREDRAFT_146216) mRNA, partial cds

AGAGTTGATCGTTCACCGTGCTTTTACCTGAGGTGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCCGTGTAGGGCTTTACT
GAGATGATTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCAGGGCATCTCTAGTACGAACCAAACCTGAAC
GGTTTCGTT

>trans_s_7092 EU188918|Vitis riparia cryptochrome 1 (CRY1) gene, complete cds

GACAGTCTCAGGTAGAAGGCGGATAGTGCAACCACCTCATTTCTGTCTCCCCACTTGCATTTTCGGTGAGGTAA
GTGTGAGAAAAGTGTTCCATCTTGTTTCAATGAAACAGGTTTTATGGGCCAATGAAGGAAACAAAGCTGGCG
AAAGAGACAC

>trans_s_7093 GQ983878|Heptacodium miconioides RNA polymerase beta subunit-like (rpoC2)
gene, partial sequence; chloroplast

TTAGTAGGTATGAGAGGATTAATGTCAGATCCACAAGGACAAATGATTGATTTACCCATTCAAAGCAATTTAC
GTGAGGGGCTGTCCTTAACGGAATATATAATTTCTTGCTACGGAGCGCGGAAAGGAGTTGTGGATGTAGGGT
ATATGGTGC

>trans_s_7094 XM_002868705|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tRNA synthetase class I (C) family
protein, mRNA

CGACGGGCAAATGAGAGCGGGGAGAATCCTTTTGCCTTAAGTGATCGCTTTTGCCAGGAATATCTTTCTGACA
TGGCTGATCTTCAGTGCTTTCTCCAACACACCAACCTCGTGTGTCAGATCACTTGGAGCAAAGACCTCTATAG
ATAAGAG

>trans_s_7095 NM_105779|Arabidopsis thaliana RSW10 (RADIAL SWELLING 10); ribose-5-
phosphate isomerase (RSW10) mRNA, complete cds

TGGTGTGTGTTGAGCATGGAATGTTTCTTGGGATGGCCACAACCTTTGATTGTTGCAGGAGAACTTGGAAATTACC
ATCAAGAATAAGTAGCAACTACCATGAACGAAGCTGGAGATATTTTAATGGCTCCTCTCCGTTTGCGAGGGAG
ACGCTCCT

>trans_s_7096 GQ998221|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 ATP synthase CF1
alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

AGTGACTACTTTACAGGAAAGGGGCGCAATGGAATACACTATTATAGTAGCCGAAACGGCAGATTCTCCGGC
TACATTACAATACCTTGCCCCTTATACAGGAGCAGCTTTGGCTGAATATTTTATGGCACTCCCCAAAGTGTGAA
AAATCAAA

>trans_s_7097 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

TGATATGCTTAAACTCAGCGGGTAGTCCCGCCTGACCTGGGGTCGCGTCGAGATTCTATCATCCTTTAGTCCGA
GACTGTTTCGATGTTACTACCAATTCAGTGACCACTTACAATACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGA
TTCTAC

>trans_s_7098 NM_125403|Arabidopsis thaliana APRR3 (ARABIDOPSIS PSEUDO-RESPONSE
REGULATOR 3); transcription regulator/ two-component response regulator (APRR3) mRNA,
complete cds

AGCAATTTACCTCCCACAAGTAATGTGAAGCTGCAGCTAAATCAATCCATAGAAGTTTACTGGCCGGTTGTTG
TTTCAGATCTAATCTGATCTTCATCGACGAATCTGCTTACCGAACTTCTTACATTTTATGAAAAAATTGGGTAA
ACGAT

>trans_s_7099 Novel Gene

GGAATCAGTCGTCGATGTTTCGGCAGAGGTTGCGGATCTTGCCCTCCCCAGTTTCAGCTCTTTCTTAAGTAGCT
TTTCTTGCTGGATTTCTTGATGTTTCGGGACCGCGGAGTTTCTTTTTTGGGAAAACCTTTTTTAACTAAAA
TAAGG

>trans_s_7100 NM_001063452|Oryza sativa Japonica Group Os06g0167000 (Os06g0167000)
mRNA, complete cds

CAGGAGCATCTGCACCTTCTCATAATGAGTTGGGAGGTACCCGTGTGGATTGCTTCCAGTGTCTTGTTTACAC
GTCCCCACTCGTAACCCGATGGGGTTAACTTATACGCAGTTAGTGAGCAGGAACCGGGCGTAAACTACAGG
TCAAAATG

>trans_s_7101 AF140693|Dicranodontium denudatum internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal
RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene,
partial sequence

ATTTGAAAAATCCATATTAATGAATTAGGGCTTAAAGGAAGAGGAATTGAATTTGGATGCCTCCGCTCTGCTT
CTTTAGCGGGTTCTCCTGAACCTACTCCGCAAGGCAGAAGACTCCCAGAAAGTTCAGGGGGGCTCTGCTCCCT
CCTCTCTC

>trans_s_7102 XM_001701204|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AATTTTTTCCAATCGAAACCTCAGAAGGCTCAGATACTTGATGGGTAAAGACTAGTCCCTGACAGCACAAAGG
TCTCATCGAGCTGGGATTATCAAACATCATCAAAGCAGAGAGACTCTTTTCCCCGGAATCGACCACATCCGGG
CTGTTTCC

>trans_s_7103 AB491623|Prasinophyceae sp. CCMP1205 gene for 26S rRNA, partial sequence

CTTAGCGGATTCCGACTTCCATGGCCACCGTCCTGCTGTCTAGATGAACTAACACCTTTTGTGGTGTCTGATGA
GCGTGCAATTTTAAACATACGGTTTAATAAGGCGTTCATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCA
CTTGGA

>trans_s_7104 AF139500|Prunus armeniaca p69RF mRNA, partial cds

AAGGAGTTAAGATCAGAGGAAAACCCAGACATTTATAAAGAACTTCCATCAAAGACTATGTGGCTCATTACT
ATAACAAAGGCCTCAATGGCATCTCTGCTCTGAACACTTCAAACCTTTGAACAACAATATATAATACATTAGCA
TGGGATA

>trans_s_7105 AF055706|Oryza sativa ribosomal protein S4 (rps4) gene, complete cds

AGGCGAATGGGGATTTACCCATCACAGAGATGCACAGAGGAAGAGAACGAACTTCTTATATTCCTTTTCTACT
CAATCTAGAAACAAGATTGGACGTTATTCTGGTTCGTCTCCATTTAGGGACCTCGCCCCTCAGATGGAATGAG
ACTAAAG

>trans_s_7106 AJ490806|Quercus petraea chloroplast ycf6 gene for cytochrome B6-F complex subunit VIII and pbsM gene for photosystem II polypeptide M

ATTCTCCCCGCCAATAAAAAAAAAAATACATCAATTAATCTCTTCTTCTGTGAAAGAGAGAACAATAACA
TAACTGAATTTTATTCCAAACGGGATCTCTTATTTTTTTCCACATTTTCAACAAAAAAGTTGGGGCGGGC
ACCCC

>trans_s_7107 AF200471|Larrea cuneifolia rubisco large subunit (rbcl) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

AGGAGTGCAGCACATTGCGCGGAGGAACCTTGGGGCACCCCTGGGGGTAATGCACCTGGTGCCGTAGCTAAC
CGAGTAGCTCTAGAAGCATGTGTACAAGCTCGTAGCAGAAAGTACAGCTCCATCTACAGAAACGGGTCCCGG
CGAATGTCCC

>trans_s_7108 X56323|S. tuberosum U2-11B gene for U2 snRNA

AGTTACTTCCCGTCAGAGAATACCTTTCTCGGCCTTTTGGCTAAGATCAAGTGTAGTATCTGTTCTTATCAGTTT
AATATCTGATACGTGGGCCATCGGCTCACATGATATTAAATTAATTTTCAAGGGGGAGGATCCACCATGGTA
GCCCAA

>trans_s_7109 U21139|Pisum sativum chaperonin precursor mRNA, chloroplast gene encoding
chloroplast protein, complete cds

CTAGAACCACATTTCTTCCTTTGGGACCAAGAGTAACTCCAATAAGTCTGCAAGTTTGTTACACCGTTCTGTA
ATTTCTTAATAGCTGAGCCATCCTGGTTGAAATGCAATTCCTTCGCCATGGCAGAGATCTTGGAAGAACGGTTT
CTTCT

>trans_s_7110 XM_002302133|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

CCATGAGGCTTATGGGCTGTGGTTAACATCAGTAATCTGTGAGATATGGTTTGCTGCATCATGGATATTGGAT
CAGTTCCCAAAATGGTGCCCCATTGTTGAGAACTTACCTTGATCGGTTATCGTTAAGGTACGGGCCGATACC
GGGGGGC

>trans_s_7111 AL161558|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 58

CGGCGGAGAAATTAGCCGCGCAAACAGAGGCCAAGAATCTAACAATCCCTGTTATCGATCTACAAGACTCTCA
CAAAACAGAGCACAATAATAAACGAAATCAAAGACGCATGCAAGTATTGTTTCGTCTTTGTTTACCTCACCC
ATGTTTG

>trans_s_7112 NM_117747|Arabidopsis thaliana binding (AT4G16490) mRNA, complete cds

AGGCTCGCCCTAGCCTCCTGAAGACTAGATCAAATCAATAACTCTGTAACTTTTTCTAAAAATGAACAAGGCC
CTAGGAAATAGGAAAGGAAGTCTAGTAATCCAAATCTGTAATGAAGCCACTAGAAATTAGCAAAGTTTTTGTA
GCTTGAT

>trans_s_7113 NM_125711|Arabidopsis thaliana BT1 (BTB AND TAZ DOMAIN PROTEIN 1); protein
binding / transcription regulator (BT1) mRNA, complete cds

TCAGTTCATCGATGAAACCGAATCGAGGAAACAGAGGAACCGGAGGATAAGAAAAGAGAGGAAGTTATATC
TAGAGCTACACGAAGCAATGGAGTGTTTAGAGCACATATGTTTCGTCCTTGGTACAACGTGTTGGTGGAAGGTT
GCACCGCTTG

>trans_s_7114 DQ629197|Haplomitrium mnioides large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

TCCGACGACATGCCGGTTCCGCCTCGAGTCTTTGTTTACTTACCTACTCTTTAATAGGAGTGTATCTCTAGCCTA
TAACGAGATTATTTGTACTCATCATCATCGCAGCCCACTTTTCACCTTGCGTCCTTGAACCGATAACCATCTTTC
GGCT

>trans_s_7115 GQ998068|Bulnesia arborea voucher FLAS:M.J. Moore 334 16S ribosomal RNA
(rrn16) gene, complete sequence; chloroplast

ACACCTGTGGACACCTTCCTCCAGTTTATCACTGGCAGTCTCCTTTGAGTTCCCGGGGCCTTAACCCCGTTGAA
AACACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCAACACCTTACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCAGC
ACCTGTAT

>trans_s_7116 Novel Gene

CCAGAACCGTATAAGAAGTTTTCTCCTCGTACGGCTCGAGGAAATTCAAAGTTATGTATAGAATTCTAATATTA
TGACCCGATGACCGGACTGTCAACAGGCAATTACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCA
ATCGCTC

>trans_s_7117 AJ606473|Fagus sylvatica partial mRNA for serine/threonine protein kinase (pk6
gene)

AAAAACTATGACAGTTGGGCCAGTCACACATCGGCTTAGTAGCTGTTTCTTCTGTGTGAATGGTCAGTAGGCT
CACCTAAAGCAACGTTGTTTGACAGTCTTTATAGTGAAGGTAAATCGTGTAGCGTTTCACTTCAAGGCTGTCAA
AGTACAT

>trans_s_7118 NM_102478|Arabidopsis thaliana valyl-tRNA synthetase / valine--tRNA ligase-
related (AT1G27160) mRNA, complete cds

AATAGTACAAGACCAGAATCAATAATGATATGTGACTATCCATCGGTGACAGAGGAATGGACTAATGAAGCT
GTGGAGAATGAGATGGATCTTATAGTATCTGCTGTTAGATCTCTGAGGTCACTGGCAAAAGAAATAATGTCCC
TTCCCAAGT

>trans_s_7119 AL161493|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 5

ATTTTCTAGGGGGAGGGCCCATCACAATAGCTTGTATATTGGGGCTTTCGAGCGTCGCCCTTGCGTTGCACTA
CTGCTTGGGCCTGGCGCATTTTCTGATCTATGATGTTATAATTGCGTTTGCCACTACCGTTCCCAAGTAGTGTC
GTCAGAC

>trans_s_7120 Novel Gene

TATGCTAATGTTGGTGAAGTGGAGATAACTTTCTTCAATTATTCCTGGGATGGGAGGGAGTAGGTCTTGCTTCAT
ATTTGTTAATTCATTTCTGGTTTACACGACTTCAGGCAGATAAAGCAGCTATCACTTGGGGCATGGACCGATGC
GGACCA

>trans_s_7121 NM_100521|Arabidopsis thaliana ATTPS7; alpha,alpha-trehalose-phosphate synthase (UDP-forming)/ transferase, transferring glycosyl groups / trehalose-phosphat> (ATTPS7) mRNA, complete cds

TGTGCAGATGCAAAAAACGTGGTCTTCATTGTGAGTGGACGAGGGAGAGACAGCTTAAGCAAGTGGTTTCGT
CCATGCAAGAAGCTTGAATTGCAGCAGAACATGGATATTTTTTAAGGCAGTCACAAAACGAAAGACAAGGG
TGAGGCAATT

>trans_s_7122 FJ358540|Gossypium hirsutum bHLH domain protein (bHLH1) mRNA, complete cds

TCTTTCACCTCCGGCGTGATCTTACCCTCTCCGGTAAGGTAAAATCAGGCGATTCCGACCACTCAGATCTCGA
AGCATCAGTGATCAGAGAAGTAGATAGCTGTACAAAATCATTAGAACCCGAAAAACGTCCAAGAAAAAGAGG
ATGAAAAAC

>trans_s_7123 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

GTGCGGGCCCGGGTTGACAGTGCTGCCCCCCCCTTGACCAACTTCCTTGACCTTCCGGCACTGGGCAGGCGT
CAGCCCCCATACATGGTCTTACGACTTTGCGGAGACCTGTGTTTTTGGTAAACAGTCGCCCCGGGCCTGGTCACT
GCGACCC

>trans_s_7124 Novel Gene

CTCGGACCCTGTCGCACCACGATTAGGAATTCCATTTAGATAAATTAGATTTTCATTAGATAAGGGCTCAAAAG
AAGAGATATCTCAATCCTAATATATAAATAATACCAATATATTAAAGATTCATAAAAAATATTTATAAATACCCG
CGGCCG

>trans_s_7125 Novel Gene

CAGCAACTTTTCAAATACTGCTTCTTCTGAGCGTCTGGAAGCTGATATTGAAGCTAAACTATTGTTGAGAAGA
ACAGTCTGTGTCGGACTATCACTCGGAAAAATGAAGAGTTGGCTTTTGGTGGCTCTTCATAACCATCAACAAG
AAGTTAC

>trans_s_7126 NM_115573|Arabidopsis thaliana patatin-related (SDP1-LIKE) mRNA, complete cds

TTGTGGAAGTGACGATACTTTCCCCAAACGATCGACGCTGAGTTTACTTTGCTGGTGTTC AACACTTTTTATC
TGATCCATCTTACGGCACAGAACGATTTCTTACATTTGTTTTCTTTTTAATGTTTTAATTTAATGATTAGTA
CTT

>trans_s_7127 AY368673|Triticum turgidum HMW-glutenin locus, complete sequence

ATTGGGGTTGGGGTTCAAGCCCTGGGAGCGGATGGGGTTTCGGTTCGGTTCGGGCCGCTCCCCAACTGGGT
TTGGAAAAGGTTATGGATATGGATTTGGATCGGGATCTGGGTCCGGGTCCGGATATGGGTATGGGAGTGGT
GTTTTGTTTAC

>trans_s_7128 CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

TGTACGTGCTCTTTTTAAAGGTTAAATTCGGAATATAACCTTCTTAAGAAATGCCTCGTTCTTGTTCAAGAAA
GAACTAGAAGGGTTCTCGAAGAAAATGAAATGCCTCCCATATATCCCCCTTTAAACCATAAACCTATAATAA
ACGTTG

>trans_s_7129 XM_002306146|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T1.1), mRNA

TTTGAACCCAGTATGGAATGAGGAGTTTACTTTTGTCTGTAAGATCCCGAACTCAAGCTTTGGAAATGATT
CTTTATGATTGGGAGCAGGTTGGCAAGCACGATAAGATGGGAATGAACGTTGTTCCGTTGAAAGAACTTACC
CCTGGGAGA

>trans_s_7130 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

ATTGCCGAGCCGAAGGGCAGCACTTCTCTACGTGATCGTAGTATCTCACCTCCTCTCGTCCCCGAGCATTTC
TAGTATCTATGCACTATTTCCGGTTCACTGATAAGGAAGATAGAGTTGGGGTGGGGGTGACCCTACACTATGC
AGTGAC

>trans_s_7131 GQ917180|Glycine max cultivar Kefeng No.1 alpha-form rubisco activase (RCAalpha)
mRNA, complete cds

AAAGGACAAGGAAAATCCTTCCAATGTGAGCTTGATTTTGCCAAGATGGGAATCAACCCAATCATGATGAGTG
CCGGAGAATTGGAAGCGGGAACGCAGGAGAGCCAGCCAAGTTGATCCGACAACGGTACCGTGTCCGCGCT
GACATGGCT

>trans_s_7132 X72581|A.thaliana mRNA for tonoplast intrinsic protein gamma (gamma-TIP)

TGGATTGCTCAACTCCTCGGATCCGTTGTCTGCTTGCTCCTTAAATTCGTCACCGGCTTGCCACCGGAAG
CTTCGGTCTATCAGCAGGAGTTGGTGAATAACGCCTTCGTTTTGAGATCGTGATGACATTCGCGAACACA
CGCACG

>trans_s_7133 AF389260|Nepenthes sp. Nickrent 3056 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCTCTTACCAACGGCAGTTAATAAACGTCCCGGTTCAAGAAATTTAAACCGATTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTG
TCGCAGAGTCTCTGCCCAAAGGGGGCAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAA
CCTTTCC

>trans_s_7134 DQ226864|Boechera divaricarpa isolate SLW-C-F01 mRNA sequence

CTATTATCCCTACTTCTGCAGCTATCGGTTTGCACTTTTACCCATAAACCTTCGACGAAGGCACACATGAATGG
TTATACAACGGTGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGACTTACAGTTTGTGAAGAA
ATTC

>trans_s_7135 U85037|Oryza sativa signal recognition particle RNA sequence

CCGCGTGAGGCTGGTCTCACAGAGCAGCGTTACCCCCGCTTCTGTCTGGTGGAAGGATAACGGGCCGGTTCC
CTTGGGCCCAATAATACCCGATGTGTAGGCCTTTGTCTAACAACTTTTTTTGGGGGACCCCCCTAATCTCT
GTCGGT

>trans_s_7136 XM_002863257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ORF64c, mRNA

AGAATCCACCTTCCGCTCTCCTTAAAAAGGAATTTTTTAAAAAGCCCATCAGTGAGATAACCACTCTGGAAGAG
CTAGAATTCTAACCTTGTGTCAGGACCTACGGGCCAAGGGACAGTCTCAGGTAGACAGTTTCTATGGGGCGTA
GGCCTC

>trans_s_7137 NM_001112090|Zea mays brassinosteroid biosynthesis-like protein (DWF1), mRNA gb|AY523572.1| Zea mays brassinosteroid biosynthesis-like protein (DWF1) mRNA, complete cds

AACATGATGAAAATGTGCAGAAAGTTGTAAAGCGCCTTAAACAAAGGAACCCAGCAAAGGATGGACTTATTT
GCACAGCTCGCAAGCCTTGGATTGCTGTTGGAATGCGAAATGTTGACTACAAACGAGCGCGTCGCTTTGTCAC
ATCGGGCG

>trans_s_7138 DQ629453|Acorus calamus small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GAGCAGGTTATCATCAGTTGGAAGTCTCAAATCATCCTTGGTATCACCACTGTCAGTTAAAAGACTGCTTTCGC
CGTTGGTGTCTTTCCGATCTCTACGCATTTACCGCTCCACCGAAATCCCTCTGCCCTACCGTACTCCAGC
TTGG

>trans_s_7139 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AACGCCACGGAGTGGCAGAGTGGCCTTGCTGCCACGATCCACTGAGATTCAGCCCTTCGTCGCTCCGATCTAG
CTCCTTCCGGCTCAGCTCTAAGTGGGTATCTGGTAACCATGTATGTAAGGGTATAATCGGTAATTTGACAGCA
AAAGCAA

>trans_s_7140 EF590628|Lagenaria siceraria voucher USDA PI271353 RNA polymerase C (rpoC1) gene, partial cds; chloroplast

AATGAGGGATGGCCATAATAAGGTTTACAAGTCGTTTTCCGATGTAATTGAAGGCAAAGAGGGAAGATTTCCG
GGAGACTCTGCTTGGCAAACGGGTCGATTATTCAGGACGTTCTGTGATGTGGTGCTTTAAGGACAGGGTGAA
TGTAGCATG

>trans_s_7141 XM_002315532|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit (CHR914), mRNA

GATGGTAACACTGGTGGTGAAGATCGTGATGCATCCATTGATGCCTTCCCAAGTCCTTTGCTTTGAGAGTCCTA
ACCTCTATTGTTTATGAATAAAATTAGCATCACTTTTTTTAGCGCTCCCGGCTCGAGCGCCCAGGCAATCTG
CCAGG

>trans_s_7142 NM_126229|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G01680) mRNA, complete cds

CCGGTGACCAGCAGGGCAATGGAGCTCAAACGGACAGTCAGTGATATCAAGCACGAGGTTCACTCTCAACTT
ATCCAAAACGAAAAACACGTCGGAGAGTTTCTGGCATTGTCAAAGAACTGAAGAAGCTCCACAGAGAGATC
ACCTGTCTG

>trans_s_7143 DQ317535|Triticum turgidum omega gliadin pseudogene, complete sequence

AGAGGGAGGTTGTGCTGGTCACTGCTGCTTCTGTTTGCTCTTTAGGATTATGTCAAGTTGTGCTTGCTGTGAGC
TTTGTGTTGGTAAAAGGGAATGTATGAACGGATGTTGTAAGTATATATACGTATGTACGTATGGATGGTGGA
GAGTGTT

>trans_s_7144 AB237199|Carpinus japonica chloroplast rps16 gene, partial sequence, isolate: AKUMA86

CAAGTATAGGTTCCGGTATACAAATCGAAAGAGATCCAATTCGAACAAGTTTCAAATTCAAACATCACATTGGA
TTAAAAGTGTATCACACGAGAATCCATTATTTATATGATTCTTTGATAAAAAGGAAATCAAATTGGGCCTCCCC
CCCGGG

>trans_s_7145 NM_121863|Arabidopsis thaliana FASS (FASS 1); protein phosphatase type 2B
regulator (FASS) mRNA, complete cds

TCCATTCCAAATTCCACTTGTTCCTAACCTTGAGAGTTCCCGCGGTTATTATTGCTCAACTATGTACAGTGGT
TCCAGTGATGGCGAAGGCCACGACCCCCGCAACGGAAGATCCCTCCAGCTTCGTCTATGCTGTGGGTCAGG
AACCTC

>trans_s_7146 NM_117266|Arabidopsis thaliana PGRL1B (PGR5-Like B) (PGRL1B) mRNA, complete
cds

AAAGGTTTATAGTGACCTTTCTGTGGACTACTTTAAAATGTTCTCTTGAATGTTCCAGCCACCGTAGTTGCACT
GGGATTGTTCTTCTTCTGATGATATCACTGGATTGAGATTACATACTTGTGGAGCTTCCAGAGCCATTCA
CAAA

>trans_s_7147 XM_002893444|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata autoinhibited Ca²⁺-ATPase 1
(ACA1), mRNA

GCCACCTCGAGGATTTTGGCTTTTTGTTTGGGAAGCTCTCCAGGATACGACTCTAATGATACTCGCTTTCTGT
GCTGTTGTTTCCCTTCTTGTGGCATAGTGATGGAAGGGTGGCCAGGGAACATCTGTCTACCGGAACCGTTTG
TGATC

>trans_s_7148 FJ529181|Brassica napus elongation factor 1 alpha (EF1alpha.2) mRNA, complete
cds

AGACGACTTAATATGCTAGTGAACTATTGAGAACGTCCAGAGGCTCATTGACTCCACTACCGGAGGTTTTGA
AGCTGGTATTTCTAAAAGCAAATGAACCCGTGAACACGCCCTCCTTGCTTTACTCTCGGTGTCAAGCAAATGA
TTGGGA

>trans_s_7149 NM_001052852|Oryza sativa Japonica Group Os02g0220500 (Os02g0220500)
mRNA, complete cds

CCGTTCTGTGTATCAAATCCTAACTCGTCAGAAAAATTCCAAGAACGAACCTCAAAAAATATGCACAACCGCAGA
ACCAAATGCCAAAGAGATGATTTTGATTAGAGCATAGCAGTTAGGAGCGCAAATGAGGACGACCCACCAACA
TCAAGTTC

>trans_s_7150 NM_001160843|Arabidopsis thaliana oxidoreductase (AT1G06645) mRNA, complete
cds

AAAAGCCGTTAGATTCTTTTAAGAGTAAAGCGGCCGATTAATCTCCGCCGCCGAGCTGCAGGGGAAGAGAT
TAGCGAGGCCGCCGATTGATTGTCGTGGCAGAAGATTCTGGGAGTTGGGAAACGCCGGCATCCGCCAAACC
TTTACTCC

>trans_s_7151 AY007367|Lycopersicon esculentum tospovirus resistance protein C (Sw5-c),
tospovirus resistance protein D (Sw5-d), and tospovirus resistance protein E (Sw5-e) genes, complete
cds

CCCTGGGAAAACAGGAAGTTCCAGAACAGGCGGCTGGTATACCACCATAATGAACTGCCTTTTCTTTTTTGC
GGGTTTCGCTTCGGGGGAGGTTAGGAGTTGGGAGGCTCGCGTAGTTTGTTACGTCAGCTCCAAAAGAGCGGA
CCATACCA

>trans_s_7152 XM_002883978|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein transporter, mRNA

TCAGTGTCATTGTTCAACTAGGGGGAATATTGGGGTGGCCTGAGTTGTTGGAAGCACTTGTAAGATGCTTAGA
CAGTAAAGACCAAAATCACATGGAAGGTGCTATGGATGCTTTGTCCAAGATTTGTGAAGATATACCTCAAGTG
CTTGACT

>trans_s_7153 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CGGAGAATCATCACGTAATACCTCGCCTGGCGATTTATAAGCTACAATTCTCATGAATCAATAGTTTGGATTTG
TAGGTAGTGACCAACAAACAAAACGAAAGAAACCTCATGTCTTTAGATCAAAACAGAACCTTAGTAAACACG
GTTTAT

>trans_s_7154 NM_001072642|Oryza sativa Japonica Group Os12g0137600 (Os12g0137600)
mRNA, complete cds

ACAGGGATAACTGGCTTGTGGATGAGAAGGAGAGATGAGTGAAATGGCATAGTTTTTAGCCTTTTTCCATGA
GAACCTTCTCTACATTAAGTTTTTCTGTCACCTCCAGGCAAGCTGCTTTGATTTCCCCCGCTAGGTATGAGCG
ATTGTC

>trans_s_7155 AF243180|Lycopersicon esculentum dicyanin mRNA, complete cds

ACCTCGGTCTCCGCCCTCTTCCAGCGTTCCTCCACGAACCCCAGCTCCAGGACGAGCTCCGGTGACCCATGTCTG
TCGGTGACACCTTTGGGTGGGGGATTCTCAGGGCGGCGCCATGTTCTACGCCACAGTTCAGTAATTGTAAAG
CCGACG

>trans_s_7156 AY517712|Schiedea kealiae external transcribed spacer and 18S ribosomal RNA
gene, partial sequence

TATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTATGAAAGAGCTTCCCTCTTTTCTCTAAAAACGATGTATAATCACAG
TACATTCAGTTGAACTATGCTTACGATCATCATATGACCCATCATGCAAAAGGTACGCCGTTAGAGTGAGATA
GCTTGA

>trans_s_7157 FJ909891|Zea mays subsp. mays Mu transposon insertion Mu1007582 flanking
sequence

ATTGCAAACAGTTGGTCTAGATGATTGCCAGTTTTGCAAGAGATTGAGATCAAAGTGGAGGGAGACTGTCTG
GGGAAGGCACAAACCAATGGATACATTGGGTTAAGCATCCTGGGCAATATCCTCAGTTAACAAAGATGAA
GTTGGATTG

>trans_s_7158 AC223438|Oryza brachyantha, complete sequence

ACAGACGTCGTAAGAAATCAGGGAAGTGAATGGTACGAGTAGCCGTTGGCAGTGGTGAAGTTTGTGAGAAT
GATGAGTGGATTCTTATTAAGTTATTGTCTGGTTGGGGTTTGTCTTTGTCTTTTACCAAACGTAACCTCCCT
GGTCCTC

>trans_s_7159 DQ267933|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D-alpha (PLDa1) mRNA, complete cds

ATTGTCATTCCATTTCTTCGATCAATCCTCTCTCCCACTCACTCAACTTCTACTGTTTCTCTCTGCAAATACAAGT
GAGAATGGAAGGTACTTCGCTTCACGGAACGCTTCACGCCACTATTTATGAAATCGACAGGTTGCATACTATA
TAAC

>trans_s_7160 EF469874|Helianthus annuus RFLP probe ZVG15 mRNA sequence

ACTAAACTTCCATCCTTCAGTTTTCTCGACGAATTTAAATGATCGGCGACGAATTCATACACTTGAGATAAA
GATCCGGCGCGTTACAGAGCCTCGCGAGTTGCAGAACATCCACAACGCTTTCGATCGTTAGCCGTTGAGCCAA
ATCTTT

>trans_s_7161 EF135616|Rhizanthus zippelii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGCTTTCCGTGTTGCGGTGTGCCCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTCGAAGTTCGCG
CTGTCGCGAGCGACTCAAAACCCTTTTTACGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGG
AACCTT

>trans_s_7162 FJ529177|Brassica napus cellulose synthase 7.1 catalytic subunit (CesA7.1) mRNA, complete cds

TCGAACTCCGGCTGTGGAGCAGCTCAAGCCAAATGCTAATGGCACTCCAAAGAAGAACCAAAGAGGTAACAC
CGGTAAGTCAGTGGCTTCACTGAAAGCCGAGTTGCTTCCTTCTCCTATGGACCCGAACCTGGGTGATCTAGAA
CGTCAACT

>trans_s_7163 AY368337|Barlia robertiana ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit-like (rbcL) gene, partial sequence; chloroplast gene for chloroplast product

CCTGAATACAGTGGTGTGTTGTCTCTGATTTTCGTTACACCAGATTCAAAGCTGGTGTAAAGATTATAAATTGA
CTTATTATACTCCTGAATATGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCGGGA
GTTC

>trans_s_7164 DQ911149|Cucumis sativus S-adenosylmethionine synthase-like (SAMS) mRNA, complete sequence

GGCTACACATCCCTCTAATGACGAAATCGCCACAGACCTCAAAGAGCATGTCATCAAGCCAGTCATCCCCGAG
AAGTACCTCGACGAGAAGACCATCTCCACCTTAACCTTCAGGCCGTTTCGTCCCCCAAAGTTTGTATCTATC
CATG

>trans_s_7165 NM_001055088|Oryza sativa Japonica Group Os02g0821800 (Os02g0821800) mRNA, partial cds

TGGTGCTCGAGTGTTATATCTTGGTGCTGCGTCTGGGACTACTGTATCTCATGTCTCTGATGTTGTTGGCCCTA
CTGGTATTGTGTATGCCGTGGAATTCTCTCATAGAAGTGGCAGAGATTTGGTCAACATGGCAAAGAAGCGCAC
TAATG

>trans_s_7166 EF186643|Lotus corniculatus isolate DGGE gel band D 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GTAGCACGTGTGTCGCCCAGGGCATAAGGGGCATGATGACTTGACGTCATGGAGTGGAAGGAGGCCGAATA
GTGGCCGTCAGACGAGTCCCAAAACCACTCAACGGTTGGCACTAAACACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGA
CTTAACCCA

>trans_s_7167 FJ707293|Triticum aestivum cultivar Pubing 3228 cytokinin oxidase/dehydrogenase
(CKX2) gene, partial cds

CCCCACCTGCCTTTGCTCTGTCACATCAGTGGAATGAACAAGCCAGATTCAACTACAGAGGACGAGTACTTCC
ATATATATTAGCTCTTTGATCCACAGATGAATATGACTTGATTCAACCCTTAATGAACTTTGAGCCTTATAATT
CCT

>trans_s_7168 NM_126762|Arabidopsis thaliana cytochrome b (MTCYB) (COB) (CYTB) (AT2G07727)
mRNA, complete cds

ATAATCCATTGGGTGTACATTCAGAGATGGATAAAATCGCTTTTTACCCTTATTTTATGTCAAGGATCTAGTG
GGTTGGGTAGCTTTTGCTATCTTTTTTCAGTGTGGATTTTTATGAGAAGGGCACCCCAAATGCCCTGACAA
TTAT

>trans_s_7169 NM_001056800|Oryza sativa Japonica Group Os03g0388500 (Os03g0388500)
mRNA, partial cds

AAGGGATCTCTGTTTCCTCGCAGAGGCAGCATTGACCAGCTATGTCAGTTCCATATCAATGGCTGAACTGT
AGACGATGGTGTGTCAGACGTTTCAAAGACGAAAGCTGTGCAAAGCTTTCTGAAGTCCCTTAACACAATTGC
CCGTGT

>trans_s_7170 AJ429679|Acanthus longifolius chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene
(partial) and tRNA-Met gene

TCATTATCTCATTCTGTAGCTAAAGAGTTATTCTAGTTGAAAAATGATTACATGATGTACTTCTCTGAAAAACAT
TGGCGCGCGTGTAACGAGGTGCTCTACCAACTGAGCTATAGCCCTTGTCAGCATCCGCAGGGACCATCGCA
ATGC

>trans_s_7171 Novel Gene

AAGCCCAATGGCTATTCACTCAAAGTCCGAATGCCATAGACTTTGTTCTGGGAGTCAGACTTGGGGTGCTAAG
ATCCAAAGTCGAGAGGGGAAACAGCCCAGATCGTACGCTAAGGTCCCTAAGCAATCACTTAGTGGAAGGAA
GTTCTCG

>trans_s_7172 AY745881|Nothofagus nitida ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase
large subunit (rbcL) and acetyl-CoA carboxylase carboxyltransferase beta subunit (accD) genes,
complete cds; chloroplast

TGTAGTCTCTAATGGTAAGCGCTCTAATCTCTATGCTAGCAGGAGACGCGCTATGTTGCGAGAATTCTTAATTC
ATGAGTTGTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTGGATTCAAAGCTGGTGT
AAAGAT

>trans_s_7173 X68256|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 6

GAAGATATCAATGGCATGATTTCTGAGAGAAGTTCACCTTGCTGCATCTGGACCGGGGAGATTCACGAAGAAG
TCTTGCGCTATTTACCTGTGAGTGGTATTATTGGACTGATCTTTTGGTGGGAAATCTTCTTCATTTTGAGGCCTG
AAAGC

>trans_s_7174 NM_116044|Arabidopsis thaliana seven in absentia (SINA) family protein
(AT3G61790) mRNA, complete cds

AGGTTGGTGGATATGGGCGAAAAGTATGGGAGGGTACACCACGAAGTATTAGAGATAGTCATCGAAAA
GTTAGGGACAGCCATGATGGACTAATCATTCAACGAAATATGGCTCTTTTCTTCTTTGTTTTACCCTTCCTT
AACTTT

>trans_s_7175 XM_002500393|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3 YABBY like transcription
factor (MICPUN_56787) mRNA, complete cds

TCTGTCTTCTTTGGGTTGGTTTGGTTCAAGAGTTTATCTATTCATTGGGTGGGTGAACTTGCTGTCATAGGAGC
CGCAGCATATTAGACAAAAACCCCTTGCGTTGCCATTGTATTTGAGGCTGTTGTGCTTTCTCCACCGCCAA
AGGG

>trans_s_7176 AB024716|Oryza sativa mRNA for ferredoxin-dependent glutamate synthase
precursor, complete cds

TATTCCACTGGCAATATTATCTCAGAAGCCACACATGCTCTATGATTATTTTAAGCAACGGTTTGACAGGTGA
CAAATCCAGCAATTGACCCTCTCAGAGAAGGACTAGTCATGTCTTGAAGTCAATATTGGAAAGCGAAGAAA
TATAT

>trans_s_7177 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted
repeat, complete sequence; chloroplast

CCCCCAAATACCCCCCTTTGGGGTTATCCTGCACTTGGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATA
ATTTGATTCTTCGTGCGCGTAGGCCCGCCTCTCTCCCCGAGCCGGATGTACCACCCAAAATCAAAGACCCCTGT
CGTGT

>trans_s_7178 NM_001060635|Oryza sativa Japonica Group Os04g0652600 (Os04g0652600)
mRNA, complete cds

ACCGCTCTATATATTCTCAAATTCCAATATTTCTCCTCTCTAGGGTTTCTTCATTTCAATCTTCAACATTTCTTGC
GATTTGCCATATCTAGAGTTTTTCTAGGGTTTCTTTCATCTTCAACGTTTCAGATCTATTCTGCGAGCCTTCTAG

>trans_s_7179 AF061404|Arabidopsis thaliana cultivar Kas-0 CAULIFLOWER (CAL) gene, partial cds

ATGGTATGCCTAAACTCTAAACATTATCTTTTTCTATTTCTTTTATCTATGTCATATGTTATTTCTAGACACTAT
TTAGTCTAATTATTTTCATGCTTTAATCCATGTGTGACGTTGCTAATGTGCAACTTGACTACGCAGCAGATACGC

>trans_s_7180 GQ998769|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ribosomal
protein L20 (rpl20) gene, complete cds; chloroplast

CAGTTGTGGATCGCTCGAATAAATGCAGTAATTCGATCTAATAAGGTAGACTACAGTTATAGTAGATTCATAC
ACAATCTCTACAAGAGGCAGTTGCTTCTTAATCGTAAATACTTGCCCAAATCGCGATACCGGGGCCTTTAAAC
AGGAA

>trans_s_7181 GU722140|Bruguiera gymnorhiza calmodulin (CaM) mRNA, complete cds

AACGGAGGCGGAGCTTCAGGACATGATCAATGAGGTGGATGCTGATGGAAATGGAACAATCGACTTTCAG
AGTTCCTAAACCTCATGGCGAGGAAGATGAAGGATACGGACTCAGAGGAAGAGTTGAGTCTTCGTAAGGCAC
ACAAGAGCG

>trans_s_7182 AY095456|Ceratophyllum demersum 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGTTTTAAAGGCAAACCTCCGTAGCTCAGATATTTATGGGTAAAGACTATTCCCCGACAGCACAAAGGTCTC
ATCGAGCTGGGATTATCAAACATCATCAAAGCAGAAAGATTGCTACTACCACCAAGATCTGCACCGACGGCC
GCTCCG

>trans_s_7183 Novel Gene

TGCTTAAGACATGAATTCAGAGATTTCTGAGTCCGACTATCCACTGAAAGATAGAAAAAGCTAGAACTACCTC
CTAATTGACTTCTTCTATTTCTCCTCAGAGATTTCTTCTCTTTCTTTCATCCTTCTCAAGAGGAGCCCTAG
AA

>trans_s_7184 AY968423|Xerosicyos danguyi 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCAGAATAAGGAATGAGCTTGAAAATTCTGAGATCATTCTTTGATCCTTATCAGTCGAGTTATTTATAACCTA
CGGACGGACCCTTAATTGAATCCGCCGTCACGATCGTGGCTGGCAGCGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCA
TCTGCG

>trans_s_7185 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

GGGCAGAGCCCGCGTCGACCTTTTATCTAATAAATGCATCCCTTCCACTGTAATATCATGGATTATCATTGGGA
ATCCGTCTTGAGTGGGCACCGCCACTGGAAACACCACTTCCCGTCCGACTTGCATGTGTTAAGCATGCCGCC
AGCGT

>trans_s_7186 AB517651|Dianthus caryophyllus DcPEL1 gene for pectate lyase, complete cds

GAACAGATTTGTTGCTCCAAATGACAGATTCAGCAAAGAGGTGACAAAATACGAGGATGCACCAGAGAGTGA
GTGGAAGAATTGGCATTGGAGGTCTGAAGGAGATCTGATGTAAACGGGGCGTTTTTCACGTCCTCAGGAGC
CGGAGCAT

>trans_s_7187 HQ163776|Morus alba actin 1 (ACT1) mRNA, complete cds

GACAATGGAACCGGAATGGTGAAGGCTGGATTTGCCGGTGATGATGCTCCCAGGGCAGTGTTCCTCAAGTATT
GTTGGTCGACCTCGACACACTGGTGTCATGGTGGGTATGGGCCAGAAAGATGCCTATGTTGGTGACGAGGCC
CAATATTT

>trans_s_7188 GQ998561|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 RNA polymerase beta
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

GCGCTACACCTGTGCAACATTCACCCGCTAAGTCCAATCAAATGATCTGCAGCTGCCAATATATCTCGCTGTAA
CAAAAATGTATTGTTCTCAGGTATATCAAGATTAAGTCTCTGGTTCAGATTTCTGTCGACCAATCCTTCCTAATTC
ACA

>trans_s_7189 AY186773|Arabidopsis lyrata S-receptor kinase 13-18 gene, exon 1 and partial cds

AAAGGTTCCGATCCAAGCAATGACGAAAGTTAACGCTGGCGGTGATGGTTGGGTCCATGTGTTGATGAATCG
GCCAGCCTCATCCTGTGCCCTATGGATACTCCTAGGAAAAGCTCGAACGACCTTCAACCTTTCCTGCAAGTGCA
AATCCC

>trans_s_7190 EF577630|Oryza punctata IRGC:seed accession 104071 cytosolic glutathione
reductase (RGRC2) gene, exons 2 through 6 and partial cds

AAAGTGGATTTCCTAACCTCTATGGATTTTGTGAACTTTCAAATTCCTTTGTGTATAACCATGTGAAACTGAGTT
CAATGTATGATTGTCGCAGTTGAAGAATTGTTGGAGGGCATGTTCAAGTCCAATCTCTTGTTGAATTCGCTGT
TTG

>trans_s_7191 GQ997042|Antirrhinum majus voucher FLAS:M.J. Moore 314 23S ribosomal RNA
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

CTCGTGACCCCAAGGTAGAAATGTGCCGACTCAGGACATACGAGCAGGATGAAGCCAACACTCAAAAACACC
ATGCGCCCCAGGGTTGTCACTTCGAAGGTAGGGTCTTTCTGTCCAGGTGCAGGTAGTCCGCATCTTCACAGAC
ATGTCTA

>trans_s_7192 AY189092|Mulinum ulicinum 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

AATGGAAAGTTGGGCCGGAACAGCATCAGAGAGATTCCCAAAAGACGATTGATCAACATTCTCAAGGCGAGT
GCTGATGTCCCTGTCTGTTTCATCGTCACTTGCTGGAACCTTTCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTGAAT
ATTT

>trans_s_7193 AJ242858|Begonia formosana x Begonia aptera chloroplast atbB and rbcl gene
promoter regions

TGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCCGATGCGGGGTTCGGAATAACG
AACCATTCTGATTAGTTGATAATATTAGTTGAGAATTTGTGAAAGGATTCTATCCCCTTGGGACGGCCAGCA
GTTAAGT

>trans_s_7194 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GGGTCTGGGGACCGGCATCCGATCGACTGGAAGGGACAAAAGAAACATCTTGTTCTTTCTCAACAATTTCTG
ATCTCTAGTGGACCTCTGAATAGGATTCTGAACCCATATGAAGTTCTGTGGTAGACAGTCTTTTTTTCTGTTGT
GTT

>trans_s_7195 AC069554|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F19I11 From
Chromosome V, complete sequence

CAAGCCATTTTCTTCTAAGCATTTGCTGAACAAGTCCCGTTCGTTCTCTGTTCAAGCTGCAGTTATTTGGGCCC
CATTCCCAGTCTCAGACCAAGGAGCGTTTCAAGCTCAAGGAGGTCTTTGAGGAGGCATATGAAATGGGCCG
TAAT

>trans_s_7196 AL161590|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 86

GACTGATAAGGAGTCAATGATGATAATAAGGGTTGAATCAGAAGGCGAAAGGACTGAATTATAATAAAAAGA
AGGAGCCCTTGATTTTCTATTTATATGGATTTCTTTCGTTGCACTCCTATTAGATGAAGTAGAAGGCGAAAGGA
CTGAAT

>trans_s_7197 XM_002303232|Populus trichocarpa ATP/ADP transporter (PtrAATP2), mRNA

GGAGTTGCAGCCAATATTACGCCCACAGTGCTCCTCGTCACTGGGGTTGCTTCTTTTCATTGATCTTGTTTGG
AGGCCCCGATAGCACCAATGCTTACACAGTTCGGCTTAACCTCTCTCCATCATCACACGCACAAACATCGCAT
GGG

>trans_s_7198 AB182926|Citrullus lanatus mRNA for cytochrome P450 like_TBP, complete cds

TTTAACAGATGTGCCGCCCCAGCCAACTCCCCACCTGACAATGTCTTCCGCCCGGATCGGCCCCGTTAGGACA
AATTCCTGTAACCCCTCTTTTACTGTAAAATATTCCGTTTCACGGAATAAGTAAAAATAACGTAAAAAGTAGT
GGTA

>trans_s_7199 AY611205|Elaeis guineensis chloroplast 1-deoxy-D-xylulose-5-phosphate synthase
(dxs2) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GGTGGTGGAGCTGTGCCCTGCACCAAAGCAATCAAACCTCACTCTCTGAGCGTTTCGTGAATCCCGACAACCCG
TTCGTCTGTCTAATAGTTGACATTTTGTCCCTTCCTCATCACAGACGTTTGTGTGGATAAGACTGATGACCAACA
TCC

>trans_s_7200 EU002541|Spiraea tomentosa RNA polymerase beta'' subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

CAAAAACAGACCGCGTGTCTTTCAGAAACAAGTGATTGCTGAGATTCGCGCGGGAACATACACTCTTAATTTA
AAAGAGAGAGTTTGAAAACATATTTATTCTGACTCAGAGGGAGAAATGCATTGGAGCACCGACACGTACCAT
GCACCC

>trans_s_7201 EF371260|Xanthidium antilopaeum var. polymazum strain JH0054 photosystem I
P700 chlorophyll A apoprotein A1 (psaA) gene, partial cds; chloroplast

AGGCCTTCTCGATTTCTCTTCTCACTTCCACTATTTTCAATCATTCGACCTGTTTCTTCCTTCAATTTACTTCCA
GGAGCTGGATATGTGCAGTGGCTCTAAGAATAAAGTTGCTCCACGAACCTTATTGCAAGGATCGAACCCTCA
A

>trans_s_7202 NM_105107|Arabidopsis thaliana myosin heavy chain-related (AT1G64330) mRNA,
complete cds

AATAAAAGACCACGACCAATCAGAAAATCGAGGCAAACAGTCCGTTGATGAATTAATTGATGATTTCTTAAA
GATTACCAGGCACTCTATGAACAATACGACAGTTTGGCCGGAGAGTTGAGAAGAGGGCCCTGAAAAAGAACC
CCCCC

>trans_s_7203 AY020735|Oryza sativa microsatellite MRG3060 containing (TA)X13, closest to
marker C559, genomic sequence

GGGGTTAAATATGTGTGTATATATATATATGTATGTATGTGTGTTTCCAGAGAGAGAGAGAGAGAGATGG
TTGTGGTTGAGGGCAAAGCTAGTATTAGAAATCAATGCAGTTGCTCCACAGCATAAGTTTTTCCATCATCGG
GCAGGG

>trans_s_7204 EF135618|Sauvagesia erecta 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAATAATATAAAGAAGCAGACGCGGGGCTGGCTCTTGCCCCGACGCCGGGTATAGGTCGCGGCTTCAGC
GCCATCCATTTTCGGGGCTAGTTGATTCGGCAGGTGAGTTGTTACACACTCCTTAGCGGATTCGACTTCCATG
ACCAC

>trans_s_7205 AJ604528|Stephania sp. 91SL partial 18S rRNA gene

CTTCCAGAAGTCGGGGTTTGTTCACGTATTAGCTCTAGAATTACTACGGTCTGATGGACCTGAAGAGCATAA
GCAATTCAATCTACGAGCAGTTTAACGCCTCCAATGCCATGAAAATTGCATAGGGGCTGCCTGAATTACTACTC
GGAG

>trans_s_7206 GQ997488|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333
cytochrome b6 protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

TAGGCAATGCTCGCCATAAACCCACAAAGACAAACAGCCCGTACGAGACGAAATTCTCATATACGGTTCTCAG
AGGGGGGTCCCCTTGGTTTACCTATCTGTATAAAGTGTATGATTGTGGATCCTCCATGAGGTCCCGGACTTATC
GGTA

>trans_s_7207 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

AGTGAATAAAAATGTTTCGTGCCCTCAAATCATTTTGATAATAATAAGTTTGATCTGTTTTACCGAGAAGGTCTA
CGGTTTCGAGCCGGCGACTCATAGGCAGTGGCTTGGTTAAGGGAACCCACCGAGCCGTAGCGAAAGCGAGT
CTTCGC

>trans_s_7208 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

AATCGCTGGTGATGTGGTGTATAGGATTTTCTATATTTTGTCTCTTTCACCTCCCATAACCAGCTAGATTGCAG
ACCAACCTTACCCCTTTCCTCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGAGGCCA
CAC

>trans_s_7209 AF177981|Capsicum annuum plastid terminal oxidase (PTOX) mRNA, complete cds;
nuclear gene encoding plastid protein

ACGATAGATATTACGCAAGGTTCTTTGTCTTAGAACTATTGCTCGGGTTCCTATTTTGCGTTTCTGTCAGTTC
TACATTTATATGAAAGTTTGGGTGGTGGAGAAGAGCTGATTATCTTTTCAAGTGAAACGACTCTCGACCTTA
CT

>trans_s_7210 DQ324035|Dunaliella sp. SPMO 200-3 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CACGAGGCGCTGTCAACGAGTCGAGTTGTTTGGGAATGCAGCTCTAAATGGGAGGTAAATTTCTTCTAAAGCT
AAATATTGGCCAGAGACCGATAGCGCACATCATCTCACTAGCTTCTCGTCCCCTACAGGGTCCCCTCTCTGGCC
CAAG

>trans_s_7211 EU310410|Arachis diogeni RNA binding protein mRNA, partial cds

GAAACCACAACCTTTTCCAACCTGGTATTTTAACAGATACTATTTCTCCATGCTGAGAAAAGAGCTGCTTAAGAT
CTTCATCAGTAACATTTGGATCAAGCCCTCCAATGAATATAGTTGTATTTGTAAAATCTCCATCAGACTGGTGTC
CA

>trans_s_7212 Novel Gene

CGGCCTCCGGAGGCGTAGTGCTTTCTTTATTGGGCTTTATAGTAATCCTTCAGTTTCTTCTTGGCATCAAAATAG
ATCAATGAAAGAGGAAAAAAGAATTTGAGAAAAGAGAAAGCCTATGATTATACTAAAGAGAAAGCCTATGAT
TATA

>trans_s_7213 BT010129|Arabidopsis thaliana At4g18480 gene, complete cds

TTCCAACCAGAGGCAGCCGAATCCAGTAGGACATCAACTAAATGATCATCCAAAAGATTTACTTCATCCACATA
GAGAATACCTCTGTTAGCTTTAGCAAGAAGGCCTGGCTCGAATGCCTTCACACCTTCAGTAAGTGCTTTTTCAA
TGT

>trans_s_7214 FJ089871|Pinus taeda isolate 7641 anonymous locus 2_1321_01 genomic sequence

CCAGCTTGTTGACTGTTTTGGTTCCTGCTAGAGTGATGCAAGCCCTGAATCTTAACACGACGACATTTGCAG
TCAGCCCCACCTTCAACCCGTGGCTGGCGGACGATTGATTCAAAGAACGATGTTCTGCTGAGATTGGAAATG
AACC

>trans_s_7215 FJ822975|Vitis vinifera cytokinin histidine-kinase receptor 1 (Cyt1) mRNA, partial cds

GAAGCTATACCTTTCAATCTCCGAGCAGTTTTGGATGATATTTTATCACTCTTTTCCGGGAAATCACAAGAAAA
AGGATTGGAGCTGGCAGTTTACATTTAGATAGTGTTCTGAGACGCTTGTTGGTGATAAGTTGGTTGGGCTT
CAAA

>trans_s_7216 AF275639|Pisum sativum cytosolic phosphoglycerate kinase mRNA, complete cds

AGGGACAGCGGCACGGATTCTGGTGTGTCGGTGATGTTGAAATTGTCATCCAAAGGAACGTTGAGATCGAC
TCTGACGAACACCCTCTTTCCCTTCAAATCATCCTCCTTGAGAGTACCGACGCTCCTTTTGGTAGCCATAAGAAT
CGCG

>trans_s_7217 X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

TTTTTATTATTGCTCGTCTACAAATATCGTTTATTTGATGCCTAATACCCCATAGATAGTTGAACTGGATAGCA
ACAATAATCAATTCCCTATTAGGCCCTTTAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCT
G

>trans_s_7218 AY147468|Typha angustifolia ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds;
ribosomal protein S7 (rps7) gene, complete cds; and NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) gene,
partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

ACGCGTAAATATTCCATTCCAAAAAGAGAAAGTTGCAAAACAAGTGGGATTTTTTTGGAGATTGGATGCAGTTA
CTAATTCATGATCTGGCATGTACAGAATGAAAACCTCACCTCGATTCTACGAGAATACGTACAGGGTGAAT
GATTA

>trans_s_7219 XM_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

TGTGGTGCAAAGTTAAAGGCTCTTTCTCTAGTAAACTGCTTAGGGATCAAGGATTTGAGCCTGAACTTGCCTTC
TCTGTCCTCATGCAAGTCTCTCCAGTCACTATCCATCCGCAGCCATTTCAAACCTAACGGCCGTCGTCCATGACT
AA

>trans_s_7220 CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

TGGCGTGGTATTCCACAGGGAGAGGTTTTTCAAATTGTGGCGCACTGTCTGTGCGTTGGGCTTACATTATCAC
TTTGTGGGGGCTCCCATGGCCACTTTGCCGCTCTAGCTTTTGCAGTCAAAGCGATGGGTTTTGGGGAGTGGA
GACTC

>trans_s_7221 FN687515|Salix triandra chloroplast psbA gene (partial), psbA-trnH IGS and tRNA-His
gene (partial), country Italy Umbria

GATCAAGAAAGAGCTCTCAGTCTGTCAATCCTTACTATGTCTGGACCTGGTAAGTTTCAAGAACTCGTATACAC
TAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGGGAAGTTGTGAGCATT
ACGT

>trans_s_7222 BT024897|Arabidopsis thaliana At3g22970 mRNA, complete cds

GGCAATAGCAATGACAGCTCCGACGATGAATTCGATGTATTGGGGGTTTTGGTGAATCGATCACCTCCGGAT
CATCCGGTGGGGATGCATGTGATATTCTGAAGGGTTAATTCCTTGACGAGCGTTACGGAGAGAAATCTTT
GGCGG

>trans_s_7223 X75579|Solanum tuberosum nad7 gene, partial

AGGATGTTGAGGTCCGAAATTCAAAGTGAAATTTTTGATTTGCCTGTTCTAGTCGTCATGGGAAAGAAAGGA
AGAAAGAAGAAAGAGATTATCCCTCTGAGCTTGTCCAGTACTACAGTACATAAAATGCATCTCCTTCGCCCC
CGCG

>trans_s_7224 DQ414691|Kandelia candel metallothionein-like protein mRNA, complete cds

CCCTCCTCATGCCAACGTCGTA CTCAAGCCCGCTAGGGGCTACCA GTGTT CGGCCTTTTGGTCGCCAATGGTTC
TATTATTGTTGTTGTTGTTGTTGTTACTATTGTTGTTGTTGTTGCCCGCCACCACAAACCCACCAGAGT
AG

>trans_s_7225 GQ998373|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 clp protease
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

TCAATTGTTGTACGCAGGCGTCACGTGTGCAGTGCATACGGCTCCACAATGGAATTCATTTTTACCTTCCAGCG
AAGGAATAGAAAATATAGGATCTAGCAGACCCAGAGCAGTAAATGATCCAATAACCACCCTTCCTTTTTTTTA
GCGG

>trans_s_7226 AF479108|Cucurbita pepo 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CCAATCAAGTCAAGTAGGTGTATCTATTGAGAAGGACGAGAGTTCAAAACCCACAAAAATAATAATAATA
ATAAAAGAAAGAAAGAAAGAACCATCCTCGACTCAATCCGCATCGGTCCATGCCCCAAGTCGATTGGCGGAC
CGGCTC

>trans_s_7227 NM_001063527|Oryza sativa Japonica Group Os06g0184300 (Os06g0184300)
mRNA, complete cds

ACGTATCTTAGGTATATCTCGAAACTTCAGAAATGCTAGACAAGAAGATGCTCATGAGTACATGGTAAACTTG
CTGGAATCAATGCATAAGTGTGCTTGCCTTTAGGCCTCCCCCTGTCCGAGAAGAGTGCCTATCTCCCTGAGAG
TTGC

>trans_s_7228 EF063359|Solanum lycopersicum phototropin-1 (PHOT1) mRNA, complete cds

GAAGAAGGGGCAAGAGAAAGGGGGATTCCGAGAGTTTCTGAAGACTTAAAAGACGCTTTGTGACATTTCAA
CAAACATTTGTGTTTCTGATGCTACTAAACCTGATTATCCTATTATGTATGCTAGTGCTGGATTTTCAAGATG
ACTG

>trans_s_7229 EU002153|Manihot esculenta 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTTACGTGTGACTAAGCCTTTTCCACTTACGTCAGTTCTGAGTTGACTGTTCGACGCCCGGGGAAGGCCCCCA
AAGGAGCCGTTCCAGTCCGTCGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCT
CATT

>trans_s_7230 NM_001187381|Oryza sativa Japonica Group Os05g0267732 (Os05g0267732)
mRNA, partial cds

ACTTGTCGTCAATCAGAATCAGAAAGCTTGAGCACGTAAAACTCTAGTTTCCCAGTATCTAAAATCACTCTCCA
ATCAACAGAACAAAAGCACATAACTCTATTGATTTTCAAGAACCCAAAGGCACCCTTCAGCGTTAGCATCCGC
AGG

>trans_s_7231 XM_003074239|Ostreococcus tauri PHD Zn-finger proteins (ISS) (Ot01g02260)
mRNA, complete cds

CTTATGGATCCCCGCGCTCTGTTGAGAGAGATTCTTGAGCCGTCTTTATCGGCGGCTCCGATAAGCCCTGACA
GAGCCCCCTCGCTGGCAGCTCAGCCACCGTGTGTCCGTTCAACCAGCTTCATTGACGACTGCGCATCCACTC
TGG

>trans_s_7232 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

GAAGATAGAGTTGGGGTGGGGGTGACGGATGTGATACGTCAAGTATGACCCGGAGAGATACATGCTAACTA
TGGGTAGAAAGCAGGAACCATTATGTAAAGAATTGCGGGGGTTTACAGATCTCTTATACTACCATCGATCGAC
AGAGCGG

>trans_s_7233 AY095474|Tacca chantieri 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAGCCCAAGGCCCAACTCTCTAGAGTCCGGAGTCTGTCTCACAAGAGTCAGTATTTAATAGTCTGTTATGCTT
ACCCGCAAAATATCAATCATCACCGGCCTGGCTACCTTAAGAGAGTCATAGTTACTCCCGCGTTTACCCGCGC
TTG

>trans_s_7234 AY936358|Cuscuta europaea RpoB (rpoB) gene, partial cds; chloroplast

TTTGGAATGGGTACACTTGACGATATGAATCATTTGAAAAATAAACGGATTCTGTTGCGGATCTCTTACA
AGATCAATTCGGATTGGCTCTAGTTCGTTTAGAAATATACCAATCTCCTTGATAATGTGGAGCAATTAGGCATA
AA

>trans_s_7235 M63627|P.sativum carbonic anhydrase mRNA, complete cds

AAAACTGGTTTCATTCACTTCAAGAAGGAGAAATATGACAAGAACCCAGAGTTGTATGGTGAACCTTGCAAAAG
GCCAAAGCCCCAAGTTCATGGTGTGTTGCTTGCTCTGATCTGGAGACACATTTGCTGTGCACCTCCAGCCCTTGG
TCT

>trans_s_7236 AB354522|Gloeospermum sphaerocarum gene for 18S ribosomal RNA, partial
sequence

AGCTAAACTAGCTATGCGGAGGTACCCCTCCGCGGCCAGCTTCTTAGAGGGACTATCCGGCCTCCGGTCAAGG
AAGTTTGAGGCAATAACAGGTCTGTGATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGCACGCGCGCTACACTGATGTATTC
AACG

>trans_s_7237 XM_003060106|Micromonas pusilla CCMP1545 histone deacetylase, mRNA

CAAAGTCTTTGGGTCCGTCCATAAAACAGTGTGGACAAGGGAAACTCTGGAGGCACACATGACAACCTAG
ATAACAAGGATTCAAGAAGATCACCTCGTGATAGAACTGACGGGGGAGGATACGAAAAGAGTTCTCGCTCCT
CATATC

>trans_s_7238 XM_002331437|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

GACTTGTAAGTGGTGTGCTTTGTTACATCCTCTCTCCAGGGATATCCGAATAGAATCTTTATCAGTTACCTTTCA
TGGGCATGATCTTATTGTTGATTCTGAGCTGGAGCTCAGCCGCGCGTCGTACCTACCATTGCTGTTCGACTTAT
T

>trans_s_7239 GQ998705|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 RNA polymerase beta'
subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CATATAGGCTTTAAGGACATCGTGGCATAACCGTCGAGGTAAAGTAGGGACCTAAAAGATCGAATGGAACGA
TACAAAGACAAACAAGTAAATCCCTTATGAATTCCAAGATACACTCCTTATTAATTTCAAATCCCTAAGTAG
TAA

>trans_s_7240 XM_002887162|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AP2 domain-containing protein
RAP2.8, mRNA

CCCAGTTTACCCCGCGGGACTCCAAAAAGCTTCACAACATGAACTGGTTTAATTCCCGGTGCATTGATTGGGT
AGCATGAATGTAAAGCTGCTTATCTGGTCCAGTAGAGCGGAGAAACCGAACCACATCTCCAGCTCTGAGAGT
GTTA

>trans_s_7241 Novel Gene

CGCAACACCCTAAAACGCCTCGTGTAAGCCTCTTTCCTACGAAGTCCAATGAGTCGTCTCCTACCGAGCACTC
ACACCATACCGCTGTATGTTACTGCCCATATTATTTGAGACAACAGGATCTTATTAAGATGAAAATCCCGCAAG
GG

>trans_s_7242 GQ997978|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 ribosomal protein
L22 (rpl22) gene, complete cds; chloroplast

AGTGGTCCAGGACATCTCTTTTCAGCAGCAGCAAATGCTAGCCACAATATGGGTTTCAACGAAAGAGATTTA
GTCATTAGTAAAGCAGAGGTCAATCAAGGTACTACTGTGAATTTGCCGTTGGACGATACGAGAAATAGTCA
ATGAA

>trans_s_7243 AB095910|Vicia faba Vfphot1b mRNA for phototropin, complete cds

GGATTGGTACTGAAAACCGATACGGAACTGGGAAGCCGCAGGGCGTTGGGGTTAGAACTTCGGGCGGCGA
TGAACAGAATACGAAACAGGAAAACTCCCGAAGGACTTCGAATAATTCGGTGCGGAGTTCGGGCTCACGTGA
TAGAGAA

>trans_s_7244 AJ515557|Cicer arietinum partial mRNA for polygalacturonase inhibitor-like protein
(pgi gene)

AGCATTCCACCGAGTATTTTAGTTTCGGGAATAAGCGATTTGAATCTAAGCCGAAACTACCTAACCGGAACTT
ACCGGATGTTTTCGGGCAAAGATCGTACTTCACAGTTCTTGATTTATCGTACAACAACTTGAAAGGACCCATCC
CG

>trans_s_7245 U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

CTGCAGCAACTACCTTCGGTGTGCTCTGGCTTTTATATAGATTTTCAACGCCAGGTCGTTGTCCACAGTCTTCA
CAAGATCTCCTAGTTCCTCGCTGCATTCCAACCTTGTCATCACCCAACCAGTTCTCCAAGAGGTTCTTCTTATTCT

>trans_s_7246 NR_022701|Arabidopsis thaliana (U4.2) ncRNA

ATACTAGTCTTACGAAGCGTGAGTTAACGAGTGAACCTGAGACACCCTGTCCTGGAGGTACTAACCGAGGCG
CGTCTATTGCTGGTTGAAAACTATTTCCAAACCCCTCCCCTTAAGTTTAGAAACCCCCCTTTTTCAACCAGCA
ATA

>trans_s_7247 AF435817|Oryza sativa thioredoxin h-like protein mRNA, complete cds

CAAATTCCGTGGAGAAGAAGAACAGTGAGAGAGTAAGAATCTGCAACAATGGCTTCACGGCTGTTCTTTGTTT
CCTCTGTTCTTTTGCTACTTTCTGTGCAGTTGCCGGATCTGTTTTCGCGTCGGAACCGAAACTCTCATACCAGA
GA

>trans_s_7248 AB546634|Byblis rorida chloroplast matK gene for maturase K, complete cds,
specimen_voucher: personal:BrorKF02

CAGTAGTCCGCCGCGCTGTCCCATATTGTACTGTTGACAGTCCGACTGCATCGGCTGCGAGGAAGGGGGA
GAAGAAGAAATCGCAAAATCTTATAAATTTACGATCAAGTCATTATATAAAGGAAAAAATCTCCTATTTAAG
GGTGC

>trans_s_7249 DQ465410|Vitis vinifera KUP2 mRNA, complete cds

CGTCTTTGTATGTATCAAGTCAGTACCAGTTCCTTTTCGTACCTCCTGCTGAGCGATATCTTGTGGGAAGAGTTG
GCCCAGCTACGCACCGGTCATACAGGTGCATTGTTCCGGTATGGCTACCGTGATGTTTCATCAGGCGTGTTCAAGT
GCC

>trans_s_7250 DQ414725|Cucumis sativus cultivar guonong25 raffinose synthase mRNA, complete
cds

TGAAGGATATTCGGTTTATGAGTATTTTCAGGTTTAAGGTTTGGTGGACTACACACTGGGTTGGTTCGAAATGG
TGGAGATCTTGAATCGGAGACTCAGATTGTGATCCTTGAGAAGTCAGATCTCTGAGCTGTGCGCACCTCTTCC
TCCT

>trans_s_7251 AF315314|Populus tomentosa NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) gene, partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

AAGTAGGACCAGTACGATAGATCTTCAAAAGTAAGTGACATGCCAGATCATGAATTAGTAACTGCATCCAATCTCCAAAAAACTCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAAT

>trans_s_7252 AF479234|Thymelaea hirsuta 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GAATGGTTGCCGTAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTTCGAAGTTCGCGCTGAGCGTCTCAGAGACGGGTTTCCCCGTCTCTTAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCC

>trans_s_7253 XM_002890822|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATMRP13, mRNA

TTGTACATTTTCAAAAACCTCTCTAGCAACGTGAGCATCAAGAGCACTCAGGGGGTCATCAAAAATGTACACATCTGAATTGGAGTACACTGCCCTGGCTAAGGAACTCTTTGCTTTTGACCACCACTAATGTTCACTCCTCTCTCTCC

>trans_s_7254 XM_002311983|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca1 (Lhca1-2), mRNA

GTTGGCGCTATTGAGTCGGTGATGGTTCTGTGTGCAACAATCAGCATACCCAGGAACAGGGCCATTGGAGAACTTGCCAACCTCACTTGGCTGACCCATGGCACAACAACATTGGCGACATTATGTAGGGGTCTTGTTAAAGCGGAACCTT

>trans_s_7255 AB219939|Solanum lycopersicum Lebsp100/ClpB mRNA for heat shock protein, complete cds

CCATTGACCTTGTCGATGAAGCTGCTGCCAAGCTGAAAATGGAAATTACCTCAAAACCTACTGCCCTCGATGAGATCAATAGAGCAGTGCTGAAGCTCGAGATGGAGAGACTTTCTTTAACAAATGATACAGACAGGGGCATCTAGAGATA

>trans_s_7256 NM_100188|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein / beige-related (AT1G03060) mRNA, complete cds

AAAGTACTACTACTGTTGCATGGGATTGTATCGTCTCTTTACTGAAGAAAGCTGAAGCCAGTCAAACATCATTTTCGATCATCTAATGGTGTGGCCATCGTCCTTCCATTTCTGGTGTCTAATGTACATCGTCAAGGGGTTCTCCGGTTGT

>trans_s_7257 AY020225|Oryza sativa microsatellite MRG2550 containing (GA)₁₂, closest to marker R1927, genomic sequence

CGTACCAATTTCTCCCTCTCTTCTCTCCGGCGAACCAAATCCCTTAATCCTCATCGGAGCATCGTAGATTTCTCTACTAATCGGGGAGGGGTTTGAGTTCAAATCATGTCGCTTAGACCAACGAGAGGGGCTGGATGGATATAAGGTT

>trans_s_7258 EF488983|Oryza sativa (indica cultivar-group) isolate Peiai64 blast resistance protein pi-ta gene, partial cds

TCCCCTACCAAGAACCTAACCACCGCGGCGGCTTCGTCTGTGGTAACTTCTACTTGTTGTTCCACTGTAAGAA
CCTCAAGTGGATGCACTTCTTTCTTGGGAGGTTCAACAAATAAGTCTGGAACATGAGTTGTGTCTGGTTTCTCC
CT

>trans_s_7259 XM_002867907|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 3
(ERD3), mRNA

CAGAAATCTAATCAAAATTGGCTAAGGAAAGAAGGTGAAAAGTTCCTTTTTCTGGTGGAGGAACTATGTTTC
CTCATGGCGTTAGCGCATACGTTGATCTGATGACAGATCTAATTCCAGAAATGAAGGATGGAGTCACCATCCA
CTAA

>trans_s_7260 HM245629|Glycine max AN1-like transcription factor (AN1) mRNA, complete cds

GAAGCTATGGCACAGAGAACCGAGAAGGAGGAGACGGAGTTCAAAGTACCGGAGACGATCACGCTCTGCGT
CAACAACCTGCGGCCTTACAGGGAATCCAGCGACGAACATATACACAGTCTTCACAAAATTACGATGCTGCTGC
TGGCGT

>trans_s_7261 AB491621|Nephroselmis olivacea gene for 26S rRNA, partial sequence, strain: NIES-
483

CACGCGGTAAAGTTTGAGAATAGGTTAAGGTTGTTCAACCCCAAGGCCTCTAATCATTCGCTTTACCTCATAA
AACTGGGGAAAGAGACTCTATCCTGAGGGAACTTCGGAGGGAACCAGCTACTAGACGGTTCGATTAGTCTT
TCGC

>trans_s_7262 AF262997|Ricinus communis NADP-dependent malic protein mRNA, complete cds;
nuclear gene for leucoplast product

TCTATCCTCCATTACCAACATCAGAAAGATTTAGCACATATTGCTGCCAGTGTGGCTGCAAAGCTTATGAA
CTTGGTTTGGCCACTCGCCTCCCTCAACCTAAAGATCTGGTGAAATATGAGTCTCTAGTGCGTGTGTCAAAGCT
AG

>trans_s_7263 XM_002972137|Selaginella moellendorffii alpha-1,2-glucosyltransferase-like protein
(GT59A1), mRNA

GAGGACGTGCCACAAGCTGTAAGTTCTTTACTTGACCGACTACTTGAGGGTACTTCTACCAATTTTGATGTAG
CATTCTTCTTGGGATCAAATTGTCCATTGATTAAGTGTTGTTATTTCTCCCAAGGAAAAAGAAACGAGGGGG
GG

>trans_s_7264 CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

AGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACACAGAGAGAGCCTCTTGAGCCGTCTTATCAGAGCCACTGCATGTTGTC
TCAGCAGCGCACATCAGCGGACCCTCTCGGGTTTGCCAGCTCAGATTCTCTCTGCAGTCTCCTCAGAGGACCG
AGTG

>trans_s_7265 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

AGAACCGTATAAGAAGTTTTCTCCTCGTACGGCTCGAGGAAATTCAAAGTTATGTATAGAATTCTAATTAATGT
CAAATATGACCGGACTGGACCACTGCAATTACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATC
G

>trans_s_7266 FJ542760|Hymenolobium flavum isolate RTP451 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAGGGAGTGGTCTGCTGTACGGCCAAGGCGCTGGGCTCTTCCTGTTCACTCGCCGTTACTGAGGGAATCCTG
GTTAGTTTCTTCTCCTCCGCTGACTAATATGCTTAAATTCAGCGGGTCGCCACGTCTGATCTGAGGTCGCGTCT
CG

>trans_s_7267 EF135616|Rhizanthus zippelii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCATGTGCAAACCGACTAGCTTCGGAAGACAAAAAGGGTTTTGAGTCTGCCGCGCGACAGCGCGAACTTCGA
AAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCCTAAGGCCTCTGCAA
CCGCC

>trans_s_7268 AF479223|Myrothamnus flabellifolius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGTTTTACCGCCCCAGAGAGTATGAATTCTGAGTGAGACACCTCTGACTGCGGGGCCGCTGAGTGGCGTAG
GCAAATCAAAATATCAATCATCACCGGCCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTCCCCCTC
TTC

>trans_s_7269 AF181798|Phoradendron forestierae 26S ribosomal RNA, partial sequence

TACCATATAAGGTACGGGCAATATAGGAAAAATGTAGCATTAATAATTTGCAATTGTGGATACATATCCTTCC
CTTTTTGGTTTCCCCCGTGCCAGCCCTCAGAGCCAATCCTTTTCCCGAGGTTACGGATCCATTTTGCCGACTT

>trans_s_7270 NM_001058200|Oryza sativa Japonica Group Os03g0810600 (Os03g0810600)
mRNA, complete cds

ATCCGAAAGCTTGATATCATTATCGTATCCAACTTCCTGAGTACAGTCCATGTTGTCTCCAAACGCCCTTCTC
TATAAATAAAGCATGAAGAAAGAGGAACCCTGTCAAAGTGAGTCCACGATCATTCACTCCTTCAGGAAGTTTT
T

>trans_s_7271 AF356002|Cicer arietinum ADP-glucose pyrophosphorylase mRNA, complete cds

AAAAAGGAGATACTTCTAAACATTTTGAGATGGCGTTTCCCAACTGCGAATGACTTTGGATCAGAGATAATCC
CTTTCTCAGCAAGAGAATTCTTGATGAAGGCATATTTATTTAATGATTATTGGGAAGACATAGGGACTATCAG
ATC

>trans_s_7272 EU982507|Panicum virgatum strain 1186 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCCCATCTGTAAGTGACAGCAAAAGCCGCCTTTCAACTTCTCATCAGGAGATAAAAAGTGTTATCCGGTATTA
GCTCGCGTTTCCACGAGTTATCCCAGTCTTACAGGCAGGTTGCCTACGTGTTACTACCCGTCCGCCGCTCATT
CC

>trans_s_7273 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

AGACAGTCGAATCAAAATAATTTGTTTTAAAGTTCTATTTCTTTCAGAGGGCAATATGGGCGCCTTATTATGTT
CTATCAACACACAAAAAGGGTTATACGATATATCTGGTGTGGAAGTCGGCCAACACTTGCGCCATACCCGCTT
CC

>trans_s_7274 D37958|Malus x domestica atp9 gene for F0-ATPase subunit 9 (complete cds) and nad5 gene for NADH dehydrogenase subunit 5 (exon a and b)

AGGCCGAAAGAAAAGGGAAAAAAGAATGCATAAGCATTCCAAGTGAGATGCCCAAGATCAAAGGAACGAGG
GGAAGAATCAGGAGGACGTAGAAGGCTAGGCTTTTTAGCTATTTTGTAGGTTTTAGCGGGGAGGGATTTCGCT
CCTTCA

>trans_s_7275 XM_001698365|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CATATGACTACTGGACTTCTCAACCAGGTAAAAAGTGGTTGTCAGTCAGAGGCCTACCTATCGGGTATTATTG
GGCCCAAGGGAACCGGCCCGTTATCTCCCCACCGACAGAAGCGGGGGGTCTGCAGCCTCACGCGGTGTCCCC
CACT

>trans_s_7276 AY607946|Haplomitrium blumei isolate SB1425 psbA gene, partial sequence;
chloroplast

CTATTATCCCTACTTCTGCAGCTATCGGTTTGCACTTTACCCATAAACAAGGATCATCGAATGTTGATGAATGG
TTATAACAACGGTGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCATGTTACATGGGTCGAGT

>trans_s_7277 DQ371902|Glycine max circadian clock-associated FKF1 (FKF1) mRNA, complete cds

CACTCTATCTTGTGTTGAATGGTTCTTGGTTAGTGGTTTTCGGGGGATGTGGCAGTCAAGGATTGCTCAATGAC
GTGTTTGTACTCGCGGGTTCGTATCAACAACCAACATGGAAAGAAATCTCTAACAAGATCTTCTTGCCATTATC
TA

>trans_s_7278 CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

TGGCCTGCCCATTCCAAGTATCTCTCAACCCGGAACCCGAAGCTCGCTTCCGAACCTCAAGTAGCGGTGATCTC
TGGAGGAAACCGCGTGAGGTCAACCCTGTGAGATGATACACAAGAAATACTCCACTAACAAGGAAGCGGTGA
ACT

>trans_s_7279 AB044410|Strobilanthes forrestii gene for 18S rRNA, partial sequence

ACCGTCACTACTTAGGAACATCAAAGCAGGCCTTTGCTCGAATACATTAGCATGGAATAATAGAATAGGACGT
GTGGTTCTATTTGTTGGTTTCTAGGACCGCCGTAATGATTAATAGGGATAGTCGGGGGCGTCATATACCATA
GCG

>trans_s_7280 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATAGTACGGTAGTAGCATCCAAATGTGCAATGTGGTGGCAGGAGCGAAGCTAACTGGGCTACTTATGAAC
GTGCTGCTGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTT
TGT

>trans_s_7281 GU172047|Ipomoea batatas microsatellite Stv_lpb_1862 sequence

AGGAGAACAATATCCTATCCTGCGGAGGTTAGCCTTAAAGACACGAAACCTGTAATCGTGCTCCTCAGCAGTG
GCGTAAGTCTTCCGAACTTGAGTTTGAAGTTCTGGAAGTGTTGTTCCGCGGTTAAAAGACGATCATCAGCAC
CGG

>trans_s_7282 X54694|Beta vulgaris subsp. vulgaris mitochondrion DNA for repeat II (partial)

GTCGTTACTACTAGCAATGACTTCCTCTTTCATTACTTTATTCTTTTTATATCCTTCTCCCTTGTTCTCAGTTACTC
ATCAAATGGCACTCAGTTTATATCTTTAAGTTGATCATTGACAAGGTTCAAAGAAAGGGGGGGTTTCTCTC

>trans_s_7283 EU808011|Vitis amurensis 2,3-bisphosphoglycerate-independent phosphoglycerate mutase (PGM) mRNA, partial cds

GGAATGCTCCAGTATGATGGTGAATTGAAGCTTCCAAGCCATTACCTTGTTTCTCCTCCAGAGATTGAGAGAA
CATCTGGGGAATATCTTGTGCACAATGGTGTTCGGACCTTGCCTGCAGTGAGACTGTCAAGTTCGGTCATGT
TAC

>trans_s_7284 AY514019|Hevea brasiliensis PPase mRNA, complete cds

CCGTAACCTCCCTCCCTTTTGTAAAGAAGACACCTTTTGTATTGACAAAACCAACAAGCTCCTTGCAATCTCT
CCCAACGAGGTTGGTGGTGGTATCTACACTAAAGCTGCTGATGTTGGTGCCGTGGAACACCCATTCCACAGGG
A

>trans_s_7285 AB043523|Impatiens serrata chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase large subunit, partial cds

AAAATAGCCCCGTAACCTCCCGAGGAAAACCGGTCCTCCTCTGGATGATGAGAAACCATGAAATGTACAGTT
ATCCCTGGCTGATCTTGGACATCTCGCGGGACCCAGAGTCACTGTCAGGAATTACGTGATGAAAGAGGCACA
CAGA

>trans_s_7286 AY042810|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F10B6.14) mRNA, complete cds

AAAATCTGCTCAGCCAACAAGGGGTTTTGCAGTTCATGTATGTGCCCCATCTGTTTGAACCTTGATTGTGCAAG
CAATACTTGTAGTTGGGTTGGTTGTGATGTTTGCTCCATTGGTGTCACTGCTTGTGGGATTGAGTGAGGCT
C

>trans_s_7287 EU165002|Agathis robusta 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

CGTCGGCGGGGGCCCCGGGAAGAGTTCTCTTTCTTCTTAAGTCTATCACCTGAAATCGGTTTGTCCGGAG
CTAGGGTTTAATGGCAGGTAGAGCAGCACACCTTTGTGCTGTCCGGTGCGCTCTCGACGACAGAGTGGGGTA
CGC

>trans_s_7288 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TAAACACCCATTTGTTAATTTTGAGTTTGC GTTTCGTTACATATTAAGTATCAGATCCGCTGAGTTGCTCTTT
GTACGACGTGGGAATTCTATATTTGTGTATTGTGTGTGATAGTATATTTGTGTGCGTTTAGAGCAACACATCC

>trans_s_7289 L42845|Friedmannia israeliensis large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast gene for chloroplast product

TCTTATCCCCTGTAATAGCCTACTTGAGCATTTTGACAAATTCCTATTGCTCAAGACCCCTTCTTCTTCACAAAC
TTTACTTGCGATATAAAAGAAAATGTGGAGTCGAAATTGCTCGAATATGGGGTTGAACATACAGCCCGAGGT
A

>trans_s_7290 Novel Gene

CGAAAGCCGTAAATTGATGAGCCCCATCCTAACGAAATGAATTTGATTCATACATGTACACACACGAATTGAA
CATAGATACATTCACCGAATCATTGATAAAGCAATTCTATTTGGCGAGGCCTGGCCCCCTCCGGGGAAACCTC
CCC

>trans_s_7291 AJ303457|Arabidopsis thaliana partial mRNA for ribonucleoprotein 1 (rnp1 gene)

AATGGTAAACAAGTAGAAGTTAAGCGTGCCCTTCCCAAGGATGCCAATCCAGGTGCAGGTGGCCGTTCAATG
GGTGGTGGTGTGGTAGTGGTGGTTATCAAGGTTATGGGTCATCTGGTGGTGTCAATTCAATAAGAATACTAT
TAGT

>trans_s_7292 AY103707|Zea mays PCO072121 mRNA sequence

TGTTTTCAAGAAGGAGAAAGTTAACCTCGCTGGCCATGATGAGTATATTGTCAGAGGAGGCAGAGATCTTTTT
CCCTTGCTGCCGGAAGCCTTCAAGGGAATCAAGAAAATCGGTGTCATTGGCTGGGGTTCACAGGCACCTGTGT
GGA

>trans_s_7293 XM_001691815|Chlamydomonas reinhardtii Paf1 complex component
(CHLREDRAFT_170652) mRNA, complete cds

ACATAGAGATTATAGCTTTAAGAACAAAAGTAGGTTTAGGAGCCCAACCTGGTTTCATACTGGATGGAGTCCT
AGCCTAAGCCAATACCGAGTGTTGTTCAACTATGAATTTCAAAGGTTGTACGATTTTATGTGTGAGGAAATAA
AG

>trans_s_7294 AJ437281|Zea mays ZmEBE-1 gene for ZmEBE-1 protein, exons 1-5

TCTTTTCACCCCTAAAAGTAGAGCCATCGTGGTTGAAGTAGAGCTCCTTGGGCGGAGGTTTGGGGGTGGGAT
TCAACGCAGGAGGGAATGAAGACGGCGGTTTGTGGAAATGGTAATGGTATGGTTTTGGTTTTGTTCTTGA
TGTT

>trans_s_7295 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

TCGCTTCGCGGGAGCCGCACAGCACATAGCTGGAAGTCAGAGGGCCCATACTACCTGCCTAACCCCTCGCTCC
GAGGGACCGTAGATCGGAAAGCGCCTTCTTAATAACCCATTTCATCCAAAAGACGCGAACCACCGAGTCTTTG
AAC

>trans_s_7296 XM_003057573|Micromonas pusilla CCMP1545 magnesium-chelatase subunit chlH-
like protein chloroplast precursor (CHLH2), mRNA

CGAGATGGAAATATTGCTGCTGTGAATTTTCAAATCAAACAGAACCCAGGGAGAGAGTTCGGCAATGGTATG
TTTGTGGCACCGGGAGGAATACCAGCCCATGTATCATATATGGCTCCCCCAAATGCTGGACCTAATGCACAGC
CCAA

>trans_s_7297 DQ911149|Cucumis sativus S-adenosylmethionine synthase-like (SAMS) mRNA,
complete sequence

GCATTGTCGCCAGTGGGCTTGACGTAGGTGCATTGTCCAAGTCTCTTACGCCATCGGTGTGCCAGAGCCACT
ATCCGTTTTGTCGATACATACAAAACCGGGAAGATCCCCGACAAGGAAATCCTGCAAAGAAGGGAAGAGG
GGGA

>trans_s_7298 AY396230|Praecitrullus fistulosus Ycf5 (ycf5) gene, partial cds; chloroplast

GTCGGACCACTAATCTAGTAACCTCAATATCGTATTATTAGTCTAGGGTTTATCTTTTAAAGCATAGGTATTCTT
TCAGGGGCAGTATGGGCTAATGAGACATGGGGATCGTATTGGATAACCCTGGGTTTCCTTTGAACCCGTTTTA
T

>trans_s_7299 XM_002881310|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata beta-tubulin R2242-rice, mRNA

ATGCCAAAAACATGATGTGTGCCGCTGATCCTCGCCATGGTCGATACCTAACTGCCTCAGCTTTATTCCGTGGC
AAGATGAGCACCAAGGAAGTCGATGAACAAATGATAAATGTACAGAACAAGAACTCGTCTATGGGGTGTGA
GTGG

>trans_s_7300 XM_002893117|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nodulin MtN3 family protein, mRNA

TCCACCCACACTTGGGTGCTGAGCCTGAAAATCGTTTCCACATCTTCAAGGACAATCTCAAGTACATCGATGAA
ATCAACGCTCAAAATTTGCCCTACCGATATCCAATGAATGTTTTCGCAAGCTCCTGCTTGTCTTCAGCCGTCGGT

>trans_s_7301 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

GCAAGGACCATGATTGGAATTGTTGGATCGTCCTTTTACGAGGAAGAGGCCAAAACATAATCAACTTGAATTC
GGGACAGCTATTGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGACCCCCATGGTT
AA

>trans_s_7302 AF479085|Polygonum sachalinense 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CATGGGTAGTCGATCCTATCTCTGAAAAAGGGTTTACTCTCTCTCATAGTTCGGAGAACTTCGAAAGGGAATC
GGGTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGAGGATGACGGCAACCATTCCCTAAGGCCTCTGCAGCCGCCCCCG
GGA

>trans_s_7303 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

AGAAACTAACTTGTGTTTGAGCGAGCATCAAATTCAGATGAAGAGTTGGGTAGCACTTCAGTGAAAGGATT
AGCAAGCTTCTCAATAGATGCTTCCGATTTGGCCAACTTACTCACAATGAACAGACATATAGGATTCAGCTGTT
GTG

>trans_s_7304 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

CCTAGAGGCATACCGTCAGAAAAGCTTCCTTGACCAATTGGGTAGATCAAGACCAGTGGGTACCCAAAGATTC
ATAGTGAACCTTCGATAGGGGCTTCTCTTGAAGCAATAACGCGTTGATCTAGTCGCCATCGGAGCCACAAAGGA
CTA

>trans_s_7305 U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

CAACTGGGTACAATTGCACAGAGTCCCGTTTGCAACAGTATCTGGTGTGCGGAGGATTCCTTGAGGAGACTCA
GCAGCCAATGACTACTAGGAGTTGTACTTTGTTTGAGCAAAAAGTTCTTCTTTGCGAAAGTGGTTGAGCTCTC
AG

>trans_s_7306 X80170|O.berteriana rpl2 gene

CCTATTTAGGGTAAACTATACCGCTACCCTTGGGAAAGCAAAAGAGCTACCGAAGGAAAGGGATGCTGTCT
CTCCCTTGGTCTTTTGAGAGGAGAAGGCGGAGAAGAAAAGGTCCTTCGCGCAAGTTTTTTTGCTTCCTGCGCC
CTTC

>trans_s_7307 GQ998768|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ribosomal
protein L2 (rpl2) gene, complete cds; chloroplast

TGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAAAAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGG
AAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAATTTGATTCTTCGTCGCCGTATTAGCGCCTCTCTCCCC
GAAT

>trans_s_7308 NM_100952|*Arabidopsis thaliana* SEX1 (STARCH EXCESS 1); alpha-glucan, water
dikinase (SEX1) mRNA, complete cds

AGCTTGATCCACCAAGTCAGCTGCAATGTAAATCGATGCATAAAGGACTTTTCTGCCTCACTCTCCAGTTCTG
CAATATTATCCAACAATGACTTCGCAGTACCTTTGCCACCCTCAGTAACCTTTCGCACTTTCTTTGGTTGGATGG

>trans_s_7309 NM_129687|*Arabidopsis thaliana* GLU2 (GLUTAMATE SYNTHASE 2); glutamate
synthase (ferredoxin) (GLU2) mRNA, complete cds

ACTCCATTTACCCAACCTCTTAGAGTTTGCTTCTCTTTCAATCAATTTCTACAAATGTAAAGTTGTGGTCTTCTTT
GCATTTATACCAACCACAGAAGCTTTCACAGGAACGGGTCTCCAACCAAGCACCTCAAGACCTTCTTGTCTAA

>trans_s_7310 D86306|*Cucurbita moschata* mRNA for proton-translocating inorganic
pyrophosphatase, complete cds

GGAGGCAAGAAAAGGTGTTGGAAAGGCATTTATTACTGCTTTTAGGTCTGGTGCTGTCATGGGCTTCCTCCTA
GCTGCCAACGGTCTCTTGGTTTTGTTTATTGCCATTAACATCTTCAAATTGCGTCGCAACAGGAGCCAAAACAA
AC

>trans_s_7311 FJ212173|*Cicer arietinum* zinc finger protein ZF3 gene, complete cds

TGGAATGTTCAAATTGGCTCTCCTGGTTATCCATCTCGAGTCTGCCATGGATTTTGTAGCCTTCCCACAACTCCA
ACTCGGGCTCCGACTGGTCATGGAGTTGGACTGCTTGATTCTCAGAGTATGATAAGCTCCTCTCCAATTGTCG

>trans_s_7312 AL161493|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 5

GTTAGGGGTAAGGTTGTTTCAGGAACCATACTCTGTAACCCAACATCTTCCCCACCTGCATCACCATCTCGAGT
GTCATCACCATCATCATCGTCCCCACCTTCGAAATCCCTCTTAAGCAGCTCAACCAACTGCTTATAAATCACTTG

>trans_s_7313 AB435244|*Cucurbita maxima* CmPhoH1 mRNA for alpha-1,4-glucan phosphorylase H
isozyme, complete cds

AGGACATGATCTTGAAGAACTGGTTGAGCAGGAGAAAGATGCTGCCCTTGGAATGGTGGACTTGGAAGGC
TTGCTTCATGTTTTCTGGATTCAATGGCAACACTAACGGGTAAGTACGTTTTGGCGTTGGGCCTTGCACTGCGC
AAAT

>trans_s_7314 AB331297|*Ceratophyllum demersum* chloroplast rpl2, trnH, psbA genes, partial cds
and complete sequence

ACAACCCACGTAACGCTCCCTGGGGGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGATTGTGAATCCACCAT
GCGCGGGTTCAATTCCCCTCGTTCGCCCCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTTTACACAGAGACGTCTTGTGT
TA

>trans_s_7315 XM_003059029|Micromonas pusilla CCMP1545 dynein heavy chain (DHC), mRNA

CTCTGTATCGTTTACCCCTACACCCGCAACCCCCCGGTCTTCGAGGCTCGGCTCCTTTCGCGCCGTCCCGG
AAGGTCGGTTGGAGGACAGTCTCCCGGCGAAAGGGTCTTTGCCTGATGCGGACAACAAAGAATTATAACAAA
TA

>trans_s_7316 GU818119|Amauriopsis dissecta isolate 1171 external transcribed spacer and 18S
ribosomal RNA gene, partial sequence

AAGGGACGCCTACGATTGCGGCATAGTGATGATGATTTAAACATGTCCGATCATAAATACTGACCTTATAAAA
GGGGGAGGGGGACTCTTGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATC
GT

>trans_s_7317 AJ532544|Oryza sativa snoR1b snoRNA

CCCCCTTTGAAAAGGGTTTTCCGGCGAGGATGATTATTGCTTTATATTTCTGACACCTCTTGTATGAGAAGTTC
GTTCTGAATAAGATAGATCTTCTTTGAGCAGATTACGCAACTCTCTGAGCCATGGGACTATCCCCCCCCAAGG

>trans_s_7318 DQ882200|Saururus cernuus isolate 018N trnK gene, partial sequence; and
maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

TCAGTGTGCAATAGTAATTCAACCTAGTACGAGAGGAACCGTTGATAATCAATGAGATGGTTATGAGGTAG
AGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATAAAGAGGGGGGGGAACCCGACCCCTCTATCGGGGGGGT
CCCCC

>trans_s_7319 U20778|Hordeum vulgare catalase (Cat2) mRNA, complete cds

AAAGGCCCTAGATGCGGGTATAAGTACCAACCAGAAAGAAGAAAGCCGTCTCCGTCTCATTGATAAGGACA
TATTCATATATATTTCAACTCCGGACTGGTCAGATTACGCTTTCGCTGCAGAAAGTAGTAGAAAGTCAAGATCAGC
CT

>trans_s_7320 NM_127239|Arabidopsis thaliana GCIP-interacting family protein (AT2G16860)
mRNA, complete cds

TAGAGAATATGGTGAAAGAACTCAAAGACCGAGATGAGAAGCGAAAGTCGTTTAGCCGTAGGAGGAAGTTC
CATGAAGACAAGGATATCGATTCCATCAATGACCGTAATGAGCATTTCAACCAATTCTAACTCGCCCGGCCCA
ACGA

>trans_s_7321 NM_124028|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT5G46580) mRNA, complete cds

ATCTCTTCAAAGAGCTTCTCAGCTTCCTCTCCAAACCAAGATCAGCACACATATTCAACAATGTATTATACAAA
ATGAAATCCATCGGCCACCCATTGATCTCATCCGCTCCCAAGTCTAAAGCATCTCTTGCCACCTCGCCT

>trans_s_7322 AF206826|Terminalia catappa

GTTGAAAGGGGAAAGAGAAATCACTTTAGGATTTGTTGATTTACTACGTGATGATTTTATTGAAAAAGACCGA
AGACGTGAAACTGAACAAGCATATTTGGAGCAGAGGAATTCGAAGTGTTCCAAGGAGAGCCGAGACCAGTAT
TCG

>trans_s_7323 Novel Gene

AGGTGCCCCTGTTTTTAATTTGTAGTTCTAACGCGTAGGTGAGCCATTTTATCATACTTTTCGGTTTATCGTAA
TTGTTAGGTTTAATTCTTTATGGGATTCGCTTGCTTTATGGAAGTGTTGACTTTGAAAGAAGAAGCGTCCTCA

>trans_s_7324 EF207454|Pterostemon rotundifolius inverted repeat B, partial sequence;
chloroplast

AAAAAAGGGGGCATACCTATCTTGTTGGCGTTTGCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACA
ACTGGGTCGCGTCTCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCACACTCTTCG

>trans_s_7325 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGCGGCAAAAAGGAAGGAAAATCCATGGACCGACCCCATCGTCTCCACCCACGAAAACACTACGAGATCACCC
CAAGGACGCCTTCGGTATCCAGGGGTCGCGGACCGACACGCTCCAAAGTGGACATTTACCTTGACAATCGT
GTC

>trans_s_7326 AY110272|Zea mays CL27262_1 mRNA sequence

CAAGAGAGAAGAGGTTCTTTCCCGGATAGGACAGATTGTGAAAGACTGGGTAAAACAACCTTACTCGCATTAA
AGGTTATACAGATCAAATGGTGGAGGATGCAAATGCTGTGATCTTCACTTTTGGTTCCTATCGTCTAGAAACAC
AA

>trans_s_7327 AJ303457|Arabidopsis thaliana partial mRNA for ribonucleoprotein 1 (rnp1 gene)

GAAGGAAAGGGGCAATGGATTCCGATCAAGGGAAGCTTTTTATTGGTGGGATTTTCATGGGAGACTTCTGAGG
ATAAGCTAAAGGACTACTTCAGCAACTATGGTGAAGTTATGCATACGGTCACCGCAGAAACGCGACGACCATC
GTC

>trans_s_7328 NM_129823|Arabidopsis thaliana MAX2 (MORE AXILLARY BRANCHES 2); ubiquitin-
protein ligase (MAX2) mRNA, complete cds

TAGTAATCCAACCTAAGTTGTACGTCTCGAATATATGGAATGTTAAGGAGAAAATTCATGAAGTGTTTCATAAG
CAGTTCCGTGTATAAATAGCTTCCTCAGAGTGAGACATTCTGCTAACCAACCCTGCGGCTGGATGCGATAGGCT
CC

>trans_s_7329 EU746399|Salicornia brachiata abscisic acid stress ripening protein mRNA, complete
cds

AAACCCCGACTTCTGCCTTGCATGAGAAGCATGGAGGCAAAAGAGGATTCAAAGCATGGACACAGGCACAAG
CTAGAGGAGGAGATAGCGGCGGTGGCTGCGGTGCGAGCGGGTGGCTTTGCATTTTCATGAGCACCATGTATT
GGGGA

>trans_s_7330 AY173935|Cucumis sativus ribosomal protein L20 (rpL20) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

AAAGGAGAAAGGAATAACTGAAAGAAAGGAAATCCATTAGTTATTCATCAAAGTTTCATTTATTCAATGACTA
GAATTAACGAGGATATATAGCTCGGAGACGTAGAACAAAAATTCGTTTATTTGCATCAAGCTTTCGAGGGGA
GA

>trans_s_7331 FJ911553|Cucumis sativus sedoheptulose-1,7-bisphosphatase (SBPase) mRNA,
complete cds

ACTAAAGCTAAGCTGAGGCTGTTATTTGAGGTAGCTCCTTTGGGATTCTTAGTGGAGAAAGCAGGAGGTTACA
GCAGTGATGGGCGTCGGTCTGTTCTCGACAAGGTGATCGAGATAGATGACGAAAGAGTTTGTACCAGTATAA
AAC

>trans_s_7332 FJ040857|Arceuthobium campylopodum isolate CAM2161 ribosomal protein S7
(rps7) gene, partial cds; ribosomal protein S12 (rps12) pseudogene, partial sequence; tRNA-Val
pseudogene, 16S ribosomal RNA gene, tRNA-Ile and tRNA-Ala pseudogenes, complete sequence; and
23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AGGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTTCGTATTTGTTTCGGAAGTCGTCAGCTCGTGC
CGTAAGGTGTTGGGTAAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCTCGTGTTTAGTTGCCCAATTTGAGTGTTTTGG
GAC

>trans_s_7333 NM_001070808|Oryza sativa Japonica Group Os10g0190000 (Os10g0190000)
mRNA, complete cds

TAGAAAATACCTTATTTGAGGATTTTTCGTTGTACCCGCATAAGGCACGAAAATTGGGTTGAGTTCGACTTCTT
TGAATAAGTTACCAAGTGACGATTGGCGAAAACCAGGGTTTAGAAACCCCAACGAAAAAGGTTATTTGCAACC
AA

>trans_s_7334 FJ617271|Lotus japonicus auxin response factor 4 (ARF4) mRNA, complete cds

TAACTGAAACTGCACATTCCTCATCTACGTTCTCCCCATTGGATAAGCATGTTACGACATTCACCCCCAACTTA
AATAATTGACGTCCTTGTCGACTTGCGAAGCTTGAATTCTTCTATCTTCTGTGTCCAGGCTCCCGACGAGGAC

>trans_s_7335 AB435244|Cucurbita maxima CmPhoH1 mRNA for alpha-1,4-glucan phosphorylase H
isozyme, complete cds

ACAATGGAATGAGACCTACTTGCATTATCACAAAGCTGATCCCAAACAAACCTACTACTTATCAATGGAGTATC
TACAGGGCCGAGCTTTGACCAATGCAATAGGAACTTGAATACTCAGGATGCTTATGCTGATGCTTTGAATAA
G

>trans_s_7336 AF033633|Riccia fluitans 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 2, 4.5S ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 3, and 5S ribosomal RNA
gene, complete sequence, chloroplast genes for chloroplast RNAs

CGACTCCTTGAACCCCGAACAATGCAAGGGCGCTGGAGGGCGTTCTTCTCCAGGACCTCGGTGCAGCTCTC
AGATACACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAAACTCTACTGCGGTGACGATACACATCCCCTCCAGGACGC
CT

>trans_s_7337 Novel Gene

CAAAACGAATCCTATTTTGGCTATTACCTTCTCCATTACTATGTTCTCATACGCAGGAATACCCCCGTTAGCCGG
TTTTTGTAGCAAATTCTATTTGTTTTTGGCGCTTTGGGGGTGTTTTAGGCAGGGGATCCCTCACACCCTCAT

>trans_s_7338 XM_003079567|Ostreococcus tauri TBCD protein (ISS) (Ot06g00010) mRNA,
complete cds

AGAGCTATTCTCATTGTAAACGACGTGGGTTGTGGGGGACACTGCGTACTTCAGCTGTGGGATCAGTTAATTC
AAGCAGAAGATATGTTCTTTGAGATGTCGTGCATCCAGCAAATCTAGAGCTGTGGAATGTAAGGTAGTTGCA
AG

>trans_s_7339 EU814483|Cucumis sativus isolate H2 ethylene insensitive 3-like protein (EIL1) gene,
partial cds

GGATAATCTGCGAGAGTGGTGAAAGACAAAGTCAGATTTGATAGAAACGGACCGGCCGCCATAGCCAAGT
ACCAGGCAGACAATGCAATTCCTGGACGAAACGATGGCTGTATAAGCTAGCCAGGTTGAGGAGTGTGGAAC
GTCCTT

>trans_s_7340 Novel Gene

ACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGTAGCGTGGTATCTCCGGAGGCC
GGACGTGAGTTGTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTTGGATTCAAAGCTGG
TGTT

>trans_s_7341 EF135618|Sauvagesia erecta 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CACCTTCAGCTTTAGGCGATTCTCTCACACATTGTTGACACCTATTAGCGACCAGCTAAAATCCCCGTTCTGTTCCG
CTGAAGCGCGCGACCTATACCCGGCCGTCGGGGCAAGAGCCAGGCCCCGCGGAGTAAAGGGGGCGCCCGGCC
CG

>trans_s_7342 AY109504|Zea mays CL27501_-1 mRNA sequence

AGAGAGTTTCCCATATTATTTAAGTGATACCACCAAAAACGTTCTGATTGCATCCATGTTCTGTTCACTTGAAGT
GTAATAAATTTGTAAAGCATGCTTCAGACCTTCCTATTCTGAGCCCACGCATACTGTTGTCAGGACTCATGGGT

>trans_s_7343 AY136628|Petunia integrifolia subsp. inflata S2 self-incompatibility ribonuclease (S2-
RNase) and S2-locus F-box protein (SLF2) genes, complete cds

CCACTATTCTTTGAGTTCCATCTTTTCTTTAGTGGATAAAAGCGTCCGTCCTCACCTCAGGCATTGAATGAGTGG
AAAATCTGCTTCAATTATCAGGCTCAAAGAATTTGACTTTCATTGAGGTCATATTCATCTGTCTGTCTCTTT

>trans_s_7344 XM_002321150|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb2
(Lhcb2-1), mRNA

TGAAGGACTAGACCCAATTTACCCAGGAGGTGCCTTCGACCCACTCGGATTGGCAGATGACCCAGATGCATTT
GCTGAGTTGAAGGTCAAGGAACTTAAGAATGGAAGGCTGGCAATGTTCTCCATGTTGCGAAAGAAACAGGTC
CGA

>trans_s_7345 NM_119463|Arabidopsis thaliana APM1 (AMINOPEPTIDASE M1); aminopeptidase
(APM1) mRNA, complete cds

CGCAAACGCTTTCTGCTGCAAACAGAAACAGAATCTGTAGACATCAAGCAGTCCCTTGGTTGCTCCCTCAGCA
AATGCTGTGGTGGAAATGATAAATATTGTGATTGGATAAAGCTTAATGTAGACCAGACTGGTTTTTACCGGGT
GA

>trans_s_7346 AF384051|Olea europaea expansin mRNA, partial cds

GGCACAATGGGTGGAGCTTGTGGGTATGGGAATTTGTACAGTCAAGGATATGGAACGAACACGGCGGCACT
TAGTACTGCTCTGTTCAACAATGGCCTCAGCTGTGGCTCTTGCTATGAAATCACTTGCAACAGTGATCCTATTA
CCA

>trans_s_7347 DQ768221|Fragaria x ananassa inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

TATGCAAGGAGACATTGCTTTTGCTAATTCGAATTGAAGGGTGATATAAAATCGGTCTATTTCCAGCATCATAT
CCTTAGTTAGCGCATTATCATAGTTAGAAGCTCCAGCTCCGTATCAAGGTCACGGTCGATATCGTCACTATCA

>trans_s_7348 AJ132228|Ricinus communis mRNA for amino acid carrier

TGCTGCAAATGGAAAAATTGGAGGGAGCTTGACTGGAATTAGCATAGGAACTGTCACTCAAACACAAAAGTG
CGTTCTTCTCTTCCAAGCTCTTGGAGACATTGCTTTTGCCTACTCATACTCGATTATCCTCATTGAATAAGTCCTG

>trans_s_7349 AB334133|Hordeum vulgare HvACT-2 mRNA for agmatine coumaroyltransferase,
complete cds

GATGACTTGCAAAATACTGAGAAGAGACAGCCCGAAACACGTCTTCTTCTTGAAGTGCGCAGTTCAGGCA
ACAACTCTGTTGATGGCCCTCCAGTGTCTGGTGGGGACTGAAACAGAAGAACCACATCCTCGGGGTCCCCTA
AG

>trans_s_7350 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

TGCAGTCATGGTAAAATCTTGGTTTATTTAATCATTAAATCATCAGGGACTCCCAAGCACATGAATTCTCTAGAA
ATAGAAAACAGGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCACTTCCACTTGACA

>trans_s_7351 NM_001070007|Oryza sativa Japonica Group Os09g0478500 (Os09g0478500)
mRNA, complete cds

AAGTGGCAAGAGCAGCATGTGTCGTGGAAGCACAAAGCAGCGACATCAGTGACGAAAGTACTTGTAGCAGCTT
TAGTAGTAGTATCAGTAAGCCTCACAAAGCAAATGACTTGAGATGGGAGGCCATCCCTACCACGTACATGGGT
TG

>trans_s_7352 Z14078|T.aestivum mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

GGCGGGCACTAGCGATCGACGTGAAAACACCCGATCCCATTCCGAGGGAGCTATACACTTTAGCAGAACGCG
GTATACATGACTCTAACAAGCCCTCTGTACCAGGTTCTGGGCGACTGTGGCCAGAGCAGTATTGTCATCGCAG
TG

>trans_s_7353 DQ455261|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BC44M21_192 sequence

AGAAGGGTGAAGGAATTGGGAGATATTTTACTTGAATTTTATAGGGGAGGGATTGGGAGTGGGGAGCAATCG
GTTGAAGGAAATGGGTTGTGGAGATGGAATGGTAATGTTCTGTCATTACTATCCGGCGCGACCTCTATACCAG
GAA

>trans_s_7354 DQ280492|Malus x domestica cytosolic NADP-malic enzyme mRNA, complete cds

GGTCTGTGTATTGTAACAACTGGCGTGTGTCATGAATTCATCCATAAGTTCAGCATATTCCTGCCAGTAGCCCT
CTTCTGCCTGAGCCCAATGTAAAACTCATCATTCAACAGCTCCTCATGTGTTGTACCAACATCAATGGTCACG

>trans_s_7355 Novel Gene

GTCTGAAGCTTTAAGTTGAAGAACCGCGGTCCGCCGCTCGCGATCACAGCGGGCTCAAGCTGTCTCTGCCCC
TCCGCTCCGTCCCCCTTCCCAGGTAGTTTCTCCTAGACTTTTTGTGGCGCGAGGCCACAAACGCAGGTAGGT

>trans_s_7356 NM_121465|Arabidopsis thaliana ATP binding / ATP-dependent helicase/ helicase/
nucleic acid binding / protein binding (AT5G14610) mRNA, complete cds

CCCAAAGGAGCTTGGTCGATCTTTCTCGGGGATTTGATCAGATCTGAAGCATACTTTGCATCCTGCTCACC
AAATGTGTAAGCAATGCCGGTAGCACCTGCTCTCCAGTTTCGACCAATCCTATGGACATAATCCTCCACTCCG

>trans_s_7357 EU016687|Yucca schidigera 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial sequence;
chloroplast

GGGGGGAAAAATGCGTTCGCTCTGTTGGCATTGCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACA
ACTGGGTCGTAATCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCACAGCTTCG

>trans_s_7358 AB080190|Pisum sativum cul1 mRNA for cullin-like protein1, complete cds

AGGTGGCTTTCTCGCTTCTTCCACTATCTTGATCGGTACTTCATCGCTCGAAGGTCATTCCACCTCTAAATGAA
GTTGGCCTCACATGCTTCCGCGAATTGGTGTACAAAGAGCTAAACAGTAAAGTGAGGGGATTGGTAGAATCC

>trans_s_7359 Novel Gene

ATGCATCTGTTTACCCTCGTCTTGACATCGTTATAAACAGATCAAGGGGATAAAGCAGATGCAAATATCTAAA
GGTTGGCTTACCAGCCCATTTTCATATTTCACTTTGTCTTGGAGTCAAATGGACCTACCGAACGGGGATCTTCA

>trans_s_7360 Novel Gene

ATTACAAGCCTTTGCCATTAACCAACTCACACATGATCTCTGTCTCTGTCTCTCTGTCTCTGTCTCTGTCTC
TCTCTCTATTCATATAGCTATCTGATGATCCATCCATTTGCTTTCTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTGTAG

>trans_s_7361 CT028445|Poplar cDNA sequences

ACTGGTGCAATGAGTTATGGATCAATCTCTCTGGAGGCGCACACTACTTTGGCCATGGCTATGAACAAAATTG
GTGGAAAGTCAAACACAGGTGAGGGAGGTGAGCAACCATCTCGAATGGAGCCTCTTCCTGATGGTTCAATGA
AT

>trans_s_7362 HM596917|Cucumis melo subsp. melo internal transcribed spacer 1, partial
sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial
sequence

ACACTACGGTGGTTGATTCAACCTCGGTGACGCTCTCGACCTATCATGATCAGGACATTCAGAAGGACATCA
AAGGATCCATAATAAAAGCCCCCTTCATCATAGAGATCATATCAAACTTGAGAATAAACAGCAAACGACTCC
C

>trans_s_7363 DQ119348|Medicago sativa cryptochrome 2B apoprotein mRNA, partial cds

TGGGACACTCTTTTAGATGCAGATTTAGAAAGTGATATCCTTGTTGGCAATATATTTCTGGGAGTTTGCCTGA
CGGCCATGAGCTTGAGAGATTGGACGATCCACAGATTCAAGGATCCAGACGCAGCTTGAGCAAGAGGCGCG
CT

>trans_s_7364 AB026822|Cucumis sativus CslAA2 mRNA for Aux/IAA protein, complete cds

CGCTCTGATTCTTCTTCAGAGGACAGCTGTATGACTGCCACAAAATCCGATGGGAACAAACCCTCGCTGAATCT
TAAGGCTACAGAACTGAGGCTTGGTCTCCCTGGATCTGAATCCCCCTCTCTTTTGAATTCGCCGGTCTTGCGT

>trans_s_7365 AF183465|Chaetopeltis orbicularis 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGATTCCGACTTCCATGGCCACCGTCCTGCTGTCTAGATGAACTAACACCTTTTGTGGTGTCTGATGAGCGTG
CATTCCGGCACCTTAACCTCGCGTTCCGGTTCATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTAG

>trans_s_7366 XM_002881772|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GAATGATTAACACCCCACTAAAAAAATTTCGCGCGGGGTGCTCAGGAGGGTCTTTTTCTTTGACGAGTCTGA
TCTCTAATCCATTACCCTTGATGACAAAACGAGGCATTTGTCTGAGAGAAATCAACACCCCTTTTTCTATCGT

>trans_s_7367 DQ195276|Picea sitchensis delta-selinene-like synthase mRNA, complete cds

AAATCGAACTGTTTTCAAGTTTTGTTTACATTTTCATAAGCATTTCATGGACTTCCTGAAGAACTCAGCAGCGAT
GCCACCGACAAGCCAGAAGACCAAAACCCCGTGGTGTGTGGAGTGCTAATCTCCGATCTCTATAGTTCGCGG

>trans_s_7368 XM_002863251|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase ND6, mRNA

GGGCTATTCAATTATCAGTTGTTTAAAAGAATTTATTTATCAACATATTTTTTTCTTCCATTTGAACTCATTTGAT
CATTCTTTTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCTCATTATTTAGAAATCAATCTTTATCG

>trans_s_7369 XM_003064946|Micromonas pusilla CCMP1545 senescence-associated protein
(SSA13), mRNA

TTGGTTGAATTTCTTCACTTTGACATTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCA
AATATTCATCATTCAAATGCAGAAATGATGGGTTATAATCATCACGCCTCCGTAGGCATTTTATGTAAGTTG

>trans_s_7370 AB498928|Glycine max GmCRY1a mRNA for cryptochrome1, complete cds

AATGCACCAGAATCTGTGCTCCAAGCTGCTGGGATCGAGCTTGATCAAACCTCTTCCATCGTAGGACT
GGATGCAGCTAAAGCTAGGTTGGAAGAAGCACTGTCAGAGATGTGGCACAAGCCCATGCTTCGGGGCCCTAT
T

>trans_s_7371 Novel Gene

AATAATCAGCAGACCAAATTGGTTAGGCTTCAGTGTGTGTAACAATCAGATCATTGATAGAAAAATCTCACTG
AACGAATAGCCTCGGCGGTGAAATATCGTCATAAGCCCATAGACTAGCAGAAGCTCGGGGGTTGATTCGTTCT
T

>trans_s_7372 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

GCTCTCGGAAAATCATTTTGATAATAATAAGTTTGATCTGTTTTACCGAGAAGGTCTACGGTTCGAGGAAACG
CTGCTCCACTACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTACACAGAGACGTCTTCACTTACCTAGTGGTACGATAGG

>trans_s_7373 HM004361|Glycine max SGF14c mRNA, complete cds

GAGATATGAAGAGATGGTTGAGGAAATGAAGAACTTGCGAAGTTAAATGTGGAATTGACAGTGGACGAGA
GAAATCTGCTATCTGTTGGCTATAAGAATGTAATAGGAGCTAGACGAGCTTCCTGGCGCGGGAGTTCTTGTAT
TGG

>trans_s_7374 AY095453|Cabomba sp. MJZ-2002 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AATGCTGAGGAAGATAACCACAACCTACCGTTCGAGCATTTTTGTGCTATTAGACCGAGGAATTGATGACATAT
AATGAGCTAGAACTATATTTATTGAACCAATGATGGATGTTCATGTTATATTTGCAAATATTGCCTTCACAGGC

>trans_s_7375 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

GATTTGAGGGAAGGGGAAAGGTTGGGGCCTGTAGCTCAGAGGATTAGAGCACGTGGCTGCGAACCACGGTG
TCCACCGAAACATACACAGGGTGGTGAGTATCTCCCGCCTCTCCCCGCGAGAGTGGAGAGAGATAAGAACAG
AAAT

>trans_s_7376 AP009369|Arabis hirsuta chloroplast DNA, complete sequence

ACCGATGCTTATGAAAGTTTAGGTTATTTCAAGTCATTTAGATCACCCGTGACACTTGCACTGACAGGGCGGTG
CTCTGACCAATTGAACTACAATCCCCTGGAGATCTCCACTAGTTTTGTTTCTTACTACTTAGATGCTTTCAGC

>trans_s_7377 U93166|Prunus armeniaca cysteine protease mRNA, complete cds

GTACGTCGCTGAGGCATCTACACTCAATTGCTCAGGTCCAGAGTGGGGGTCAAACCTCCACTGATGCTGTTC
CTCCTGAATCGAAAGACTGGAGGAAAGATGGCATAGTTAGTCCTGTTAAAGATCAAGGCCACTGTGGTTGAA
CG

>trans_s_7378 Novel Gene

GGGTGCCTCCTCAGATAACATCTCTTAACCCTGTTTATATTCCTTCTTGGCCTTAGTATTAGTGTTCTTTTTGT
GCAGTAGTGAGTTGTATCGTCCAAAGATATTGAATTTCTCCCTACGGCCGTCCCTGGTGGGATCGTTTTAA

>trans_s_7379 AF147485|Rhodoleia championii tRNA-Leu (trnL) and tRNA-Phe (trnF) genes, partial
sequence; chloroplast genes for chloroplast products

TTGGTAAGCAGAACTGGCGATGCGGGATAAACCGGGGGGGCGGGGGCATTGTTTGCGATGCCTGAATTTTA
GGCAGCTGTTTGGTATGGAAACCTACTAAGTGATAACTTTCAAATTCAGAGAAACCCTGGAATTAATAAATGTT
ACC

>trans_s_7380 AB026500|Cucumis sativus mRNA for ethylene receptor CS-ETR2, complete cds

TCCAATTCCCATTCTTTGACAAAGGAAAACCAAGCAATCGCCAATACATCAGATTCCATTACATCCAGCTTCA
GATCTTAGCATTCCAACACATGCACAAACCTCAAACGATCCGCAATCCCATCTCTCTCATCCATTAATCCAAT

>trans_s_7381 AY105426|Zea mays PCO146438 mRNA sequence

CGGAAGATCACATATTACCAGGATCGTCCAGATATAATGGCAAAGTACACATGTCGCATAGAAGCCGATAAGT
CATTGTACCCAGTGCTGCTCTCTAATGGAAATCTTATAGACCAGGGTGATTAGATGCGCAGCTGTCGATGAG
A

>trans_s_7382 AY688828|Greeneothallus gemmiparus PsbA (psbA) gene, complete cds; chloroplast

TGTGCTATTATCCCCGAGGAGTACTAGCGATTGGGTACAGGGGGCAAACGCCCAAGAAGCTGCTTCCGTTGAT
GAATGGTTATACAACGGTGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTACTTGGTGTAGCATGTTACATGGG

>trans_s_7383 XM_002328574|Populus trichocarpa type-b response regulator, mRNA

CATGCCAGACATGGATGGATTCAAACCTTCTGGAATACATTGGATTAGAAATGGACTTGCCTGTAATCATGATG
TCGGTGGATGATGGGAAAAACGTTGTCATGAAGGGAGTGACTCATGGTGTGACTATTTAATTTTGGAC
A

>trans_s_7384 AP009366|Aethionema cordifolium chloroplast DNA, complete sequence

AAAAAAAAAAAAAACGCTTTTAAAAATGTCTAGAAGCCTGGCTTTCCTTTGTCAGGCTACTGTTCTCTTGT
GTTCCCTAAAAGTAATAGAGTAAGACAAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACC

>trans_s_7385 DQ907239|Medicago sativa heat shock transcription factor 1 (HSF1) gene, HSF1-b3
allele, complete cds; alternatively spliced

AGAGAGAAGAAATCTCTTAAGACAGATCGAGAAAGAAAAGAGATCCAGATGTGGGATGAAATCGAGAAAGA
AAAGTCAATGAACAAGGAGGAAAGAGAAAAATCGATAAAGGAAAGAATCCACTAACAAGAAAAAACTCCCC
CCCC

>trans_s_7386 AY029748|Medicago sativa Q(B) polypeptide (psbA) gene, partial cds; tRNA-His
gene, complete sequence; and NADH dehydrogenase (ndhF) gene, partial cds; chloroplast genes for
chloroplast products

TGTTTTGATGATCCCTACCTTATTGACCGCAACTTCTGTATTTATTTAAACAAGCAAAAGGCCGGAAGCAGTTC
CAGTATGAAAGTGACTTGTACAAGATCTGAGTTGTTTCAGCTGATAGTATATAACACAATAAGTAGGGGTATC

>trans_s_7387 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

TACGACATGCTGCTTTTTCCATTATTCCTTTCAGGATCAGTCGCGGTCTTACAACTCTACCGATAGTATGGAC
GAATCTGTTACTTCATAGAAAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCAC

>trans_s_7388 AF254866|Amaranthus tricolor 23S ribosomal RNA, complete sequence; chloroplast
gene for chloroplast product

TACAGTGAAAGGTTTTTACAGGTCCTGACACAAGGTTAGAATTCTAGCTCTTCCAGAGTGGTATCTTGTCAGTG
GCTGGGGCCCCCGGAAAAAAATTCCTCTCGCCTTCCACCTAAGCTGCGCAGGAAAGGCCCAAAGCCAATCC

>trans_s_7389 X69184|A.pyhllitidis mRNA for alpha-tubulin 2

CTACCCATCCCCTCAGGTTTCAACTGCTGTCGTGGAGCCTTACAACAGCGTTCTTTCTACCCATTCTCTTCTGA
GCATACGGATGTTGCTGTTCTTCTAGACAATGAAGCTATATACGACGCCACGAAGAGCTCTCTCTTGCTAC

>trans_s_7390 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

TTTTATTTATTTTCGAACATGGGTTTTTTTAGTCCAAGTGTATCTTGTTTTTACTACGAATTATTTTCCTTGGTTA
ACAACAGTTGTAGTTTTTCCAATATTTGCGGGTTTATTACCTTTCTTCTGGTGTACCAGTTTAGCACGGG

>trans_s_7391 AY054486|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At4g08950; T3H13.3) mRNA,
complete cds

AATGTCCTGGACATTGTGCTTGGCCATTTTCATCAGCCGATGTACGGACCTCAATCGCCACCATTGATTGCGCCT
AACGGCGATATGGGAATGGACGGAATGATTATTAACCTTGCTAGTCTTTTGGCTGGAAGTCTACCAATGGCC

>trans_s_7392 AY097360|Arabidopsis thaliana At1g11840/F12F1_32 mRNA, complete cds

GATTATTCTTCAAAGTAAACCAAAGCCTTTAGTGTAACCGAATAGAACGGTCAAGATCTGATACGTGAATA
ACTGCACGAAGAAAACGGCGATGGTCCTTCTTACCGTAAGTAACACATTGTCGTTTAGATTACGAGCCGCTA
A

>trans_s_7393 CP000585|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 5, complete sequence

ACTCAAAGCGGGCCACCTACAGGAGCGTAGAGCACTCCACAGCCATCCTCCATCCAACAAGGAAACCCAAC
CAAAATCGATGGAATGCCGGGGCCCTACCAGCCCGTTCCTCACTCTCGCCCTACAGTTTAACTTGGGAGGTTCT

>trans_s_7394 Novel Gene

AGAGGAGCGAAGGGGAGGGCTTTCCGGACTTTCCCCACCCCCCTTCCATTCTGCCTTCCCCTCTCATTCCCC
TTTTTCAAGGTTTATATGGAATTTTCATGACTCCTAAGGGAGCGGTCCGGAGGGAGAGTCTCTGAGAGAGACTT

>trans_s_7395 XM_002870379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ethylene-dependent gravitropism-
deficient and yellow-green 1 (EGY1), mRNA

AATTGCATCTCAGATCAATCGTCTTCTCCAGAGGTAGTGAAATACTTCACAGATCCCAATGCTGTTGAACCAC
CAGATATGGAGCTGCTATTTCCATTTGTAGATTCTGCTCTGCCTTTAGCATATGGTGTGTTGGGTGTTTTGTT

>trans_s_7396 NM_001061141|Oryza sativa Japonica Group Os05g0141700 (Os05g0141700)
mRNA, complete cds

GGAGTTCGTAAATGTTTTGGTAAATGAGGAGGTTAGAATCTCCCGCCTTCAGTTGTTCCCTTTGTTAAGAAATG
AAGGCTCGAATGAATCCTCGACCAAAACAATGGTCACGAACATAGCAGCGTCGTTCTGTATACAAAAAACA

>trans_s_7397 AC225785|Oryza granulata, complete sequence

TCTAGTCAGAACCGAAGGAAGAGAGAGCGAGACTGTCAGAGAGGAAAAAAGAATGATCGAAGCATCTCAAT
GAGGCAGCTCGACTGATAAGGTTCTTTGAAAGTCGACTGATAAGGAGTCAATGATGATAATAAGGGTTGAAT
CAGG

>trans_s_7398 BT006607|Arabidopsis thaliana At5g57655 mRNA, complete cds

AGGGAACTAAAATTAACCTCTGTGGGTACGGCACAACCTTTCATGCACCCTCGATACATGCATGGTGGTGC
TACTAGCTCTGAAGTTGGTGTATATGCATACGCTGCTGCTCAAGTCAAGAAAGCAATGGGCACGCGCGCTACC
A

>trans_s_7399 EU161280|Solanum pennellii LO4 (MDR1) mRNA, complete cds

TTCAACGATCCAGTTTTGAATCCCGCGCAGGACTGGAGCTTAGTTCATAGCTCACTGCTTCCCCACAATCCGAT
TGATTAATCTCCATATTTTCTTAGCTTGATCTTGACTTCAGAGGAAGTGCATCAGCGACGCGTGACGGTTCTA

>trans_s_7400 HM596917|Cucumis melo subsp. melo internal transcribed spacer 1, partial
sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial
sequence

AATTCGGTAGGCGTGCTGCCACGTGCATGGAGGCCAGTGTGTGTCCCTGCCTTCACAACGACCCCGCATGGG
GAGAGTTGTGTGGTGGGGGCAGCGATGCGTGACGCCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGGC
GCAA

>trans_s_7401 XM_002983906|Selaginella moellendorffii family 2 glycosyltransferase (CESA2-2),
mRNA

CCGGGCGTCGAACAGTCAACAAAGATGGGAACCAGTCTTGTCCTCAGTGCAAGACTAGATACAAGAGGCACA
AAGGGAGTCCTCGCGTTGATGGTGATGATGATGAGGATGATGTGGATGACATGTCTCCGTCTGGGCATTACG
TAC

>trans_s_7402 FJ183227|Capsella grandiflora isolate KatarapassGreece933_18 At5g41920-like
protein gene, partial cds

AATGAACTACTACTGCTTCCCCGGATCTCAATTCCAGTTGACCCGGGTTTGTTATGTTCCCGATTTTGCCTTCCA
CTGGATGGAATTCGAAGGGTAGACCTAGAGATGTTGCGAAATCGGCGAGTCTTCGTCTGTTGATTGGAGCA

>trans_s_7403 AY968439|Marah macrocarpus ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds;
plastid

GATTGTCTAGGTGATGAAATTAAGGACAAAGTTTTTATCTATTATTTGTATCTAACTGTATAAAAGCAGGGGCG
GATCTATGAATAGGAGATGTTGTGCGAGTATCTACAGGACCCAAATTATCAATAGGCTCTCCAAGCACGTTGA

>trans_s_7404 XM_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

GTCCTAGGGCGCGTCAATCTAGTCCAGATTTTAAGAAAAATTAAGCCCAATGCCAGTCTGATACAAGAGGA
AAACTGGGCTTTCATCCACTGGGACTCGCATAGGCACAATGACTAGAAGCTCAAATAATAAGCCAATCAACAC
C

>trans_s_7405 BT024705|Arabidopsis thaliana At2g39650 mRNA, complete cds

CGAACATGATTTGGCTCTTATGGTTAGCGATTTCTTGAAAATGGAAGCGGTGGAGGTGAGTCTTGGTGTAGT
AGCGATAGCGATTCTGGTGTTCGATCTTGTTTCATCTTGCTGAATTCTATGTGGTAACTTTCTCTTTTGAA

>trans_s_7406 Novel Gene

GGGTTGTGTTGGCTTGCTTTAGGTCCAACAACCGGGTCTCCAGTATTGTCGGCTCACATGATATTAAATTAATT
TTTCTAGGGGGAGGGCCCCAAAAAATTTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATT

>trans_s_7407 FJ882980|Fragaria x ananassa blue light photoreceptor mRNA, partial cds

AGAAGATTTTGGACAGCGGAGAACAGATAGGACTGAAACATTTCAAGCCAGTGAAGCCTTTGGGATCTGGTG
ATACTGGCAGTGTGCATTTGGTAGAACTGTGTGGGACTGATCAATACTTTGTGGCAGGAATGGCCCTATTCAA
C

>trans_s_7408 NM_180601|Arabidopsis thaliana CER1 (ECERIFERUM 1); octadecanal decarbonylase
(CER1) mRNA, complete cds

TGAAAATTCATTGTTAAGAGAAGAAGAAGTAGCAGATGTGGTTCATTTAAGCCATTTGACAACCCCAATCT
ATCTATCATATGAGTAGGTGGTTGGCAACTGTGGCCTCACAACCATTTGCCTCAGAATGGTGGTTGAGTCTGC

>trans_s_7409 Z35303|S.tuberosum (PU141) mRNA for U14 small nucleolar RNA

AGTCAATTTGTGTCTGGAAAGGCGAGTCTCAGACATCCAAGGAAGGATAAAACAGCATTAGCTCTCAAGCCT
GGCGAAGGCGAAAGCTCTCAGGCGGCCACTGCGAATGTTTTGAGAAACAAGCCTTAAAGGCATCATCATTGT
TT

>trans_s_7410 GU235996|Coix lacryma-jobi 22-kDa prolamin gene cluster, complete sequence

AAAGCATATTGTCTATGGAGATTTTACTGCTGTTGCTGTAGATAAATTTTTGAAATACAATATTCTGAAGAAT
GAACTTGCATGTAATTCGATTCAAACCTGATATATTTTGATTAATATGGTTTTAATTCCTGTTGTGTAATTT

>trans_s_7411 NM_203066|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing
protein / copper chaperone (CCH)-related (AT5G17450) mRNA, complete cds

AGCGGCTACTACGCAAATCCAACTACGTTCAAGGTTACTCCACGCCGATGAACGATCATACTCAAATGT
TCAGCGACGAGAATCCAAATGCTGCTTGTTCCGTCATGTGAGTAAACCGATGTATCCATGAAGGTTTTTCCTA

>trans_s_7412 BT015172|Arabidopsis thaliana At3g10300 gene, complete cds

TATACGACATAAACCCACTCCCATCCTGATCGGCTACTTGAAAACAAGCAACGATGCTCGGATCAGTACCAGG
CGGAAAAGCCGATGGCAAGAGTGAAGCAAAAGGGTTTCCATAAGCAGAAGGAGGTGGATAACCATGACCAC
CA

>trans_s_7413 DQ629244|Dicranum scoparium large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

CGCAGAGGCGGCGAGAACATGACGGTGATAGCCCCATTGCTCGTGCTAGATTGTCGTCGTTTAGTGTTGCAG
ATTAGCCTTTTCCTTTTCCACGGCTGATCAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACCTCTCTAAGGAACTC

>trans_s_7414 AY189052|Bowlesia tropaeolifolia 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

CGAAAGGAACTCCTGATTTTGGGTTTGACGAAGCTCAGATGCACCGAAGATTTTCGTGCGGAATGGTCGGA
CGGTTGTGATCGTGGGTGTAGTGTCAACATATGAGCGGACGCATCGCAAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCAT
CG

>trans_s_7415 EF135616|Rhizanthus zippelii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACACGTTTGGCTGATCGAAATCCCACTTTTTCTTCGGGCTGTCTGCCGCGCGACAGCGCGAACTTCGAAAGG
GAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCCTAAGGCCTCTGCAATTATT

>trans_s_7416 Novel Gene

TGGCGCATTTCTGGGGAGAACCACCGGTTAGGTCAAGTAGAATGCGTTGAGCTCCCTCAGTATCAGAGCTTGT
GTGGGGAACTCTTCACTTTTGGCCTAACCAAAACCAGACCTACTTAACACATAAAGTCCAGCCGTGGCTTGACC

>trans_s_7417 NM_001161030|Arabidopsis thaliana heme transporter (AT2G07768) mRNA,
complete cds

GGATCCCGTAGAAAATGCTTCTTTTATGCCTTGGGTATTAGCCACAGCTTGTATTCATTCAAGTCATTTTACCCTT
TCTTCATTCTTGGACCTTGTTTCTGAATATTCTGACTTTCTCGCATCACACTCCGAAGGTTCCCTTTACA

>trans_s_7418 AF479130|Viviania marifolia 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TAAACAACAAATGCATCTCAGGAACAATATCCCCATGATTTTCTTCACTGTAAATCAAAGTGCAAGGATAACA
AAATAGATTGTTTCATCATCGATGAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCC

>trans_s_7419 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

TCCCCCTCCCGGGTAGTGTTATCGCTTGCTATTGGGGCTTTCGAGCGTCGCCCTTGCGTTGCACTACTGCTTGG
GCCGGCGACTCATAGGCAGTGCTTGGTTAAGGGAACCCACCGGAGCCGTAGCGAAAGCGAGTCTTCATGG
G

>trans_s_7420 NM_001071755|Oryza sativa Japonica Group Os11g0100200 (Os11g0100200)
mRNA, complete cds

AGGGCGTGGACGTGGGAGTGGGAGTGGGAGTGGCAGAGGTCGTGGTGAGAAGTTATCAGCCGAAGATCTA
GATGCGGATTGGACAAGTACCATGAAGAAGCGATGCAGATCAATTAAATCATTTGGTGTCATTTTCTGGGGC
TTG

>trans_s_7421 AY275914|Aralia elata tRNA-Cys (trnC) gene, partial sequence; PetN (petN) and
PsbM (psbM) genes, complete cds; and tRNA-Asp (trnD) gene, partial sequence; chloroplast genes
for chloroplast products

TTATTTGTAAGTGAATTTTTTCGATTATACTAGAAATCATATAATAAATTGGGATAATTCGATTTTTGTATTGTT
CATCAATGGTGTGTGCCCGAATCTCTTTTACTATGCGCTAGTGATTCCAAACATGAAACCGTAAGCT

>trans_s_7422 X54738|L.esculentum mitochondrion coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

AGGCAAGGGGGGGGGTGGGGAAAGTCCGGAAAGCCCTCAAGGGACATTTTTCTCCTCCTCCCGGTTCTGGTT
CAGGAAAGGGTCAACACAAGGATCTGACTTCAAAGCAATCTCTGGAGTTTTCCCTTATCCAAACGGGTCTTGC
A

>trans_s_7423 EU725461|Oryza sativa Indica Group cultivar Pusa Basmati-1 lipoxigenase-1 gene,
complete cds

CAGTCGGGGGCATTTCGTATTTCAATAACGGGCACCATAGATTACAGGTCTGGTAAACTACCAACCTACAAAGC
AAAACCTCCGTATCTCATTATGTGTCCAGAAACGCTGTGTCAATCGAATATATTTGTTTGAAAGACAATGACT

>trans_s_7424 NM_118031|Arabidopsis thaliana ERD3 (early-responsive to dehydration 3) (ERD3) mRNA, complete cds

CAAGGAAATGGAAGAAGTATGGTTTGCATCGGCTTACTTTCATGGAACGACATTGTCCGCCTGTGTTGAAAG
AAAGGAATGCTTAATTCCACCACCAGATGGGTATAAACACCAATTAGATGGCCAAAAGTGGGGATGAGTG
T

>trans_s_7425 FJ402912|Glycine tomentella retrotransposon gtd1-136a20-re-1, complete sequence

TATCCAGAATATCGTCCTTCTTATCAAACATCAAGCTTGAGTCAAGATTTCTTCCATCATTAGTTGCCAATGCAG
GGCCACTCGTCTGGATAGACCTAGCAGTATGTGATCTCTCAGTCTGGGAATCAGATTTAGAGCAGGGGTC

>trans_s_7426 FJ905101|Nicotiana tabacum cultivar SNN chlorophyll synthase (CHLG) mRNA, CHLG-1 allele, complete cds

AAGATTATCCAGCATCCAAGCCAATAGAGTTCGATTTCAACCTTCTCTATCCCCAGTTTCTGTTTCTTTTCTAGA
AGGAGGCTATCGGTTGTTGCAGCTGAACTGACGCGAATGAAGTTAAATCTCAGGCACCAGACGGGATAT

>trans_s_7427 X68050|N.tabacum mRNA for ribosomal protein S6

AAAACGTGCCTCCCCGGGGATGGGGCGAAATGGAAAATATAAAGATAACAGAAACGCTGAGACATAAATAA
TAATGCGAACAACTAAGCGGCAACGGATGGCTTTGAGGCAGCCGAGAATTTGGACCTCTTCTGGCCAACT
CT

>trans_s_7428 FJ078108|Pinus taeda isolate 5130 anonymous locus 0_6552_02 genomic sequence

GGACCTTGAACTGGGAGTTTTTAGAGGGGACATTTCTTCGTCCTCGTTGTGGCGGTGGAAGAGGCTGTGG
TGGCGGTTTTCTCCGACATAGTGGTTTTGTAGTTGAGATGTTGTATTGTATTATTGTTCTAAATTT

>trans_s_7429 D26578|Daucus carota mRNA for DNA-binding protein (transcriptional regulator), partial cds, CHB6

AGTAGATTCGGTACCAACATGGACTGAACTCCCTGCCATAAACGTGGCTGTTTCTTGGACTCTGTTCTCTGA
AGTTCCACAGTGGGCGTTTCACTACACGCCTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGTAT

>trans_s_7430 NM_001052853|Oryza sativa Japonica Group Os02g0220600 (Os02g0220600) mRNA, complete cds

GCTCCTGCAGAAGAAGCCGCGAACGCTGCCCTAAAACGATCTCTTGGTGCTTTGAACTCTACCTTGCTTCAAA
CACATTCTCGTTGGACACTCCGTGACACTAGCTGATATCATTCTGACATGCAATCTCTATTTGGAGCCTGT

>trans_s_7431 XM_002298396|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

GTGACAGAGGTCTTTGGAGGTGCCCATTGGTGAGCAAGGGTATGTGATTTAAAGAACTTCTTTGTCGTAGTT
CGGTGGGGGAAGATCTCGTGATGTCCATATGGCATCTGCCAGCTCATTCGTTCTGCAATCTTCTGCTTC

>trans_s_7432 EU234582|Platycodon grandiflorus 5S ribosomal RNA gene, partial sequence; 5S ribosomal RNA non-transcribed spacer genomic sequence; and 5S ribosomal RNA gene, partial sequence

TACTAAGTTGGGTGACCACTTGGGAAGTCCTCGTGTTGCACCCCTATGAGAATTCGTTATTAATTAAATAGTCA
ACAACATGGTGGCAGTATTCTTATTTTCTGTTGGATTCTACTATGTTGTGTTGTATCGTGAAGTATAACACA

>trans_s_7433 GQ997940|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 clp protease
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

GAGAGGAAGACGCATCGTGGGTTGACATATAGTGCGACTTGTGAGATATATTGGGTCATATGGTATTTCCCCG
TTCTCTCCCCGATCGAGATATCCTCTCTTCGCCCAAGACGGATTGATTTAATCATCGGGCTAAACCTCGCT

>trans_s_7434 NM_001124038|Arabidopsis thaliana ATSK42 (ARABIDOPSIS SHAGGY-LIKE KINASE
42); ATP binding / protein kinase/ protein serine/threonine kinase (ATSK42) mRNA, complete cds

GAGCTCCTGAGCTTATTTTTGGAGCAACAGAGTATACTACTGCAATTGATATATGGTCGACTGGATGTGTGAT
GGCTGAGCTACTTCTCGAAAGCCCCTTTTCCTGGTGAAAGTGAGTCGACCAAGATCAACTCAAATACCCT

>trans_s_7435 NM_122180|Arabidopsis thaliana ATCSLA02; mannan synthase/ transferase,
transferring glycosyl groups (ATCSLA02) mRNA, complete cds

TACCATTTTGAAGTCACTAGGAACTCCAAGGTCAATTCACCTTCTTCTACTGGATCCTTTTCGAAAATGTCAT
GTCGTTGCACCGTACGAAAGCAACATTGATCGGTCTATTGGAAGCCGGTCGAGCCAACGAATGGGTTGAGT

>trans_s_7436 NM_115456|Arabidopsis thaliana SZF1 (SALT-INDUCIBLE ZINC FINGER 1);
transcription factor (SZF1) mRNA, complete cds

CGTCGACGCCTACGGGAGAAAACCTGTCGATTTGATTGTTTCAGCTTGCAGGATGGTGTGAATACGGGAAG
AAAGGCTATGGAGATGTTGTTGAGAGGAGATGGTATGGCTGGGGAAGCACTGCTCTTTTGATTACCAAATTG
TT

>trans_s_7437 GQ916662|Allium ampeloprasum 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene,
partial sequence; chloroplast

TTTACGCAAGCCTCTGTTGGCGTTTTCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAACCTGGGTC
GTACTTCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCTACCGATGCATTGACATCCACAGCTTCGGCAGATCG

>trans_s_7438 AY544989|Taxus x media 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGTAACGTTAACAACCAGAAGTGTAGAAGGCCTTCGACGCCGCGGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCC
CTGCCCTTTGTACACACCGCCCGTCGCTCCTACCGATGTCCGTTGAATTGCCTGTGGATTCGATATTCGACA

>trans_s_7439 NM_126762|Arabidopsis thaliana cytochrome b (MTCYB) (COB) (CYTB) (AT2G07727)
mRNA, complete cds

AAGGTGGGGGAACAAGAGTTCTCACGATAGTCAAGAGAAATGACTAAAAGAAAGCAACGATTCTCTTCTT
AAACAACCTATATCCTCCACACTGAATCAGCATTGATAGATTATCCAACCCCGAGCTTTCTCCCAAGCCAACG

>trans_s_7440 CP000592|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 12, complete sequence

TGGGTGCTCCGACGATCGGGAAGGAAAGGGCTGGGTTAGAGTTTTGTTAGTAGCGGCGAGCGAGAGCGGAT
TGGGGGTTTTAGAAACCTTTCTCGAGGCTTTGTTTCATTGACTGAAGTATCGAGGAGGATCCAATAGAATGT
TT

>trans_s_7441 CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

CGGCACATGTTTCAGCCAATTACACGTACAGTTCTGAGAGTTGAGCTTACAATAACACCAGACTTCCAGTGGGA
GGACAAGGTTTCATGGATATGTAGAGTCGTTTTGGGTAAGTGTGGAGGATCCTGATGACAGGATCGTACTCCG
C

>trans_s_7442 FJ669818|Podostemum ceratophyllum embryo defective 2765 (EMB2765) gene,
exon 9 and partial cds

CTTGACAGACGACTTAATATGCGCTGTAAACGCCCATTACACTGTTGTAATATGACAATTATTCAGAGATCCCT
ATTCCTATTGAATCCAGAGATCGGCATCACCCCGGCTTTCCTTGGAAACCCTGAGCAGTATTGTCATCGCACA

>trans_s_7443 NM_123014|Arabidopsis thaliana eIF4-gamma/eIF5/eIF2-epsilon domain-containing
protein (AT5G36230) mRNA, complete cds

GAAGCTAAGTGAAATGAAATCTGCTTTAACAACCCAAATAGCCGAGGAACTGACATTGCTGAAGTTATAGAA
ACTGTGAAGCATCGAATGAGAGATGCCAATTTACCTGATATCGAAGTTGTTGAAAAAACACCTACAGTACC

>trans_s_7444 EU189220|Gossypium hirsutum 14-3-3a protein mRNA, complete cds

CGGTTTCAGTAGCTCCGCCTTCGTCTGCAAGATCGGATGTCCACAGAGTTAGATTGTCCCTAAGGAGCTGCATA
ATAAGGGTAATGTCCTTGTAGGATTCTCATTGAGACTGTCAAGTTCTGCAATAGCCTCATCAAAGGCCTGCT

>trans_s_7445 GQ997942|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 NADH-
plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

AAAGAGATATTTTTATTGTTTCTTATCTCCATTACTATATGCATTTCTTCTCTATCTCCCTATTCATAGAGATAG
AATTCATGTCCGAATTCATGAACTAATGCGTGCAACAAACCCCGACTTCTTCTCTTCGTACGGGCGGCT

>trans_s_7446 AC223443|Oryza glaberrima, complete sequence

TGAATGCTCAGCTCCCAGGGCCTTCGAATAAGAAGACGTACCCACTTGCTGGAACGCTCAAATTTCTTCACCCC
AGAGCTCAAGCTTCTTCGAGCACAAGCAATTTAGCTCAGAGGCAGCTCCACAATTTCAAAGAAAAGGAG

>trans_s_7447 Novel Gene

TCCCCTCTATCCAGAGGCGACGCGCAGATAAGATAGAGAGCGACTAGAGTTGACTTCAGGAATAGAGGTTTT
TGATGTAGTTGCCCACGTTTTTGCTTTTTTCATCGAGATTGGGTTGGCCGTAGGGAACCTCCAGAGTTTTGGTA

>trans_s_7448 NM_001048717|Oryza sativa Japonica Group Os01g0176500 (Os01g0176500)
mRNA, complete cds

TCAGTTCGATTGGAAGATCGAACTAAAAAATTTTACTCAAAACCTTGCGATATCGAATTCTCCAGCATCACT
CGTCTGAGATTCTTGCTTTTGGATTCTCAGGCCCTTCTTATTGCTGGTACATTTGAAGGGGAATGACGCG

>trans_s_7449 AY173935|Cucumis sativus ribosomal protein L20 (rpL20) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

AGGAGCTCCGGTGTATAGAGAGGACCTACCGTTTAAGAAGTAACCATAGAAACGAAGGAACCCACTATTTTC
TTTATCCATTTCTATTTTTATTTATTTACTCTATTTTTGTTTTTATACCTAGTAATTCGACGTAAAGTTAGG

>trans_s_7450 NM_001074739|Oryza sativa Japonica Group Os11g0594800 (Os11g0594800)
mRNA, complete cds

CACCTTCAGCTTTAGGCGATTCTCTCACACATTGTTGACACCTATTAGCGACCAGCTAAAATCCCCGTTTCGTTAT
AGTCCTATATATCAAGCGCAAATTAATGATTTTACCCTCGGGAATTTTATTTCTCGCAGTGCTTTTCTTG

>trans_s_7451 XM_002330576|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB8), mRNA

ATGCCACTTTGTCTGTTTCATCAACTTGTTGAGAATGCTGATGAATGCATGGTTCTTGACAATGAAGCCCTCTAC
GATATTTGCTTCCGAACACTCAAGCTTGCTACTCCAATAAACACAGCTCAGGGGTGGAATAGAGACGATG

>trans_s_7452 EF585866|Sonneratia ovata isolate Sonn402_3 ubiquitin conjugating protein gene,
partial cds

CGCCCAATTTGAGCAGCGTGTTCCAAAGCAAGAAACACGTTTAACTTACACTTCAGTTCACAGAAGATTATCC
AAATAAGCCACCAACAGTCCGCTTTGTGTCTAGAATGTTTACCCTAACCGGGCGTAATCGTTCCTACGGG

>trans_s_7453 EU314658|Atocion rupestre ribosomal protein L20 (rpl20) gene, complete cds; rps12
gene, partial cds; and ClpP (clpP) gene, exons 2, 3 and partial cds; chloroplast

GTTAGGATTGATCTAAACCAACTCAAATACATATGTGCCTCAACATGCCAACTATTAACAACCTATTAGAAAC
ACAAGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAAATCGCCCGCCCTTCGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGAACATG

>trans_s_7454 EU017282|Trachelium caeruleum photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,
partial cds; chloroplast

TCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAATTCTGTAGAGCTCCGCATAATTTCTTCGGATTGAGCCGACATC
CCATCTCTGTAATAGGTGTTACGGAGAAAATCCCCGGAAGTTGTCGGAATTATTCGTAATAAGATATTGG

>trans_s_7455 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CAATTTATGACCTACCATACGATCCGTTATATAAACAGGCAAATGGTCCTTTCCATTATGAATAGCAATAGTAG
AGGACCCCTTTTGGGGCGTAATTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCA

>trans_s_7456 AB125313|Nannochloris bacillaris NbrbcS1-2, GAMM1, Mut2 genes for ribulose-1,5-
biphosphate carboxyase/oxygenase small subunit, GAMM1 protein-like protein, DNA mismatch
repair protein Mut2-like protein and genes for trypsin, peptidyl-prolyl cis-trans isomerase, complete
cds

TGTGCGCTTCCCCACAACAATACATAACTATAAGCTTTAACTTATCGATCAATCACGACCATAGAACACTTCAA
CAATTGAACACACACTTCCTCTAGCAATTTGGAGACTTGGAATGTTGCAACGCTTAGGTAGCTGCATTGC

>trans_s_7457 X56233|P.deltoides mRNA for malic enzyme

TGGGTTGTTTCAATTTTGAAGTTTAGTGATCTGGGATGGAGAGTACTTTGAAGGAGATCGGCGATGGCGGTTCT
GTGTTGGATTGGACCCCAAAGCAACTGTTGGTGGTGGTGTGAGGATATGCGCAAGAGGTCAGTGTAGCAC

>trans_s_7458 AF206871|Bomarea hirtella 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

ATCCCTGCGGATGCTAACGCAATAAAAATACTCGGAAAAGACCACATACGTGCAAGGTTTTTGGTTGCCGTCC
AGTTGTTGCTCTTTCATAAATCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTG

>trans_s_7459 NM_001063527|Oryza sativa Japonica Group Os06g0184300 (Os06g0184300)
mRNA, complete cds

AAAGTTAAGGCTCTTAAGCAGTTCACAGTTCACAAGGCACCTTATGTCTTAACTATTCATCTCAAACGATTTCAGTCATACAATCTTGAAGAAAAGATCCACAAAAAGATTCAATTTGGCCCTACACCTCTAGACCGTGGCAAAC

>trans_s_7460 NM_001052414|Oryza sativa Japonica Group Os02g0146700 (Os02g0146700)
mRNA, complete cds

GGCTCCCATTGATGATCTGATGGAACCTGTTCAAGAAATTGTTGCTTTTCACATGAAACACAATGCCGAACCTGAAGCTGTTGATCTACTTATGGAGGTTGAAGATCTTGATCTGTTAGTTGAGCATGTTGACAGCACAAATTC

>trans_s_7461 AF479121|Hydnocarpus heterophylla 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TGGTACACGTTTGGCTGATCGAAGCGAGAGTGGGGGAAACCCAGAGACATCGCGCGACAGCGCGAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCCTAAAATTCTCAACC

>trans_s_7462 EU912399|Brassica napus WRKY28-1 transcription factor (WRKY28-1) mRNA, complete cds

ACAGGTTAATATGGATTCAGACTCCTTCGGAGCAGTCGAGTCTCAAATCTTCTCAAATGCTTTGATCATCTGGAGCTTTTTCTTCTCCATATTCACCTGTGTCTTATTCAATGAGCTTCGATTGCCTCCCAGTCCCGGGAC

>trans_s_7463 Y08427|N.tomentosiformis internal transcribed spacer between 26S and 18S rRNA genes

TCAGTGTCGCAATAGTAATTCAACCTAGTACGAGAGGAACCGTTGATAAGCTGGCAGAGCAGTTATGAGGTAAGAGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATAAAGAGGGGGGGAACCCCGACCCCTCTATCCCCCCTTC

>trans_s_7464 X00476|Soybean chloroplast transfer RNA-Leu

GCGTAGGTTGCCCCAAGGCGTGGTGGGGATAGAGGGACTTGAACCCTCACGATTTTAAAAGTCGACGGATTTTAAGTCCGTAGCGTCTACCGATTCGCCATATCCCTCAACAGAGCGCGGGGATCCATAACACTACCTACCCA

>trans_s_7465 AF479086|Mirabilis jalapa 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AGACGCTAGGGACGCTCCGACGCACATTGCTAAAGCAAATTTCCGGGTGGACGCCCCCAAGGGCACCCACTGTCGTGTCACTGGATTGTCGTGCGCTCAACTGAGTTGACTGTTGACGCCCCGGGGAAGGCCCCCAAAGGAGCC

>trans_s_7466 XM_002886443|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AAA-type ATPase family protein, mRNA

AGTGTGGAAGCAACAATTGGAACGTGATACTGAACTCTGAAAACACAAGCAAATATTGTCAGCATTCGCTTGTCCTCAATCGAATCGGTTTGGATTGCTCTAACCTCGATGCTCTCTGCAGATTCTAGTTCGTGATACAATT

>trans_s_7467 CP000586|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 6, complete sequence

CATGAGCGGCAACAATATAATTTGCGCTTCTGTGTAGAGGAGATTCTACATGGGTTGTTGTTGCGTTGACGA
ATGTGCCAAAATGCTAATCTGAAGCTCCATGAGCGGCAACAATATAATTTTATAGGAGTGTATCTTTCTCCC

>trans_s_7468 XM_002314998|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

AAAGGCTACAGCTCCTTAAATACATTGGCGGTTTCTAAGATCATGAAGAAGTATGATAAGATAACATCGCGTA
AAGCATCCAAGGTCTACTTAGAAATGGTGGATAAATCACCTCTTGGCAGCCCTACAGAGGTCACAAGGCTCA

>trans_s_7469 EU161340|Prumnopitys ladei 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAGGAACGTTAACAATGAAGTAGTGAGCTCGTCCAGCCACAAGGGTGTGGTGTCTGATGAGCGTGCAATTTA
AACATACGGTTTAATAAGGCGTTCATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGGAGCTCT

>trans_s_7470 FJ008870|Malus x domestica cultivar Fuji calcium antiporter 1 mRNA, complete cds

CTTGGAACCTTCTCTCTTTTGTGGTGAATTGCTAATCTCAGACGGGAACAAATTTATGACAGAAGGCAAGCTG
ATGTCAACTCCCTCATGTTGATGCTATCTTTACTGTGCCACTTATTGCCGTTACTGTTTGGCTACGCTGCCT

>trans_s_7471 AY045622|Arabidopsis thaliana At1g59710/T30E16_31 mRNA, complete cds

AATCCTATAAATTTTTTCCCAATTTCTCCAGATTCATCATAGCTCGACTGTTATGGATTTGTTTCGCAATGCTAA
AACGATCAGACTGCGAAGCCACCACAAGAAGTATTTATCCGCTGATAGTCTACTCCTTAGGCAGATTCA

>trans_s_7472 NM_111591|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L13A (RPL13aA)
(AT3G07110) mRNA, complete cds

GATCATAAATTATGGTGCTATTACTTGCAACTGAGGACCGAGCTTCTCGTCTGCAACCTTCTCGGCTTTGACCC
TCAACTTAGTCAACTGCTTCTTCTCTCGTATGCAGCTTGAGACCTCTCTTCCTCTTCTCTCAAGCTCC

>trans_s_7473 AF348059|Rhizanthella slateri 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGCGACTCATAGGTAGCACTTAAATTCATGGTCTGCAGGGAACCTTGATCTCAGGCCATACGAGCATTGTGC
GACATTGAAACCTCCCCTTTTCTTCTCTTTGTTGCCTCAGTACTTGTCATGAGACCGAGGCAGAACTGGGAA

>trans_s_7474 XM_002868861|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata chloroplast lumen common family
protein, mRNA

AGTTTTGGGGAAACCCAAGGGTAGCTCAGATATTTTATGGGTAAAGACTATTCCCCGACAGCACAAAGGTCTC
ATCGAGCTGGGATTATCAAACATCATCAAAGCAGAACTCTCGCACCTTGCGTCCTTGAACCGATAACCATC

>trans_s_7475 AB266450|Pyrus pyrifolia var. culta PsGAPDH-2 mRNA for glyceraldehyde-3-
phosphate dehydrogenase like protein, partial cds

ACCAACTGTCTTGCTCCACTTGCAAAGGTCATTACGATAGATTGGCATTGTTGAGGGCCTGATGACCACTGT
TCACTCAATGACCGCCACCCAAAAGACTGTTGATGGACCATCCAGCAAAGACTGGAGAGGTGGAAGAAAAA

>trans_s_7476 AF030382|Cucumis melo ADP-glucose pyrophosphorylase small subunit (msf1)
mRNA, complete cds

TTTCTTTGTGCCTTTTTCTATTGCATTGTAAAAAGCTTCAATGGTACCAATATCTTCCCAGTAACCATCATACAAG
TAAGCTTGCACCCTCATTCCAATGGAAGTTGCACCAGGAATAACTTCACTCCCAAATCATTTGCTCCG

>trans_s_7477 EF151133|Physcomitrella patens subsp. patens trehalose-phosphate synthase 5
mRNA, complete cds

TCCATCTTGGCAAAAGCTTATCAGTCTTCAAGACAATGTTTAGTTTTGAATGCTAATGGACTTACAGAAAATGT
CTCTCTTTAACTGTTCTGTGCTCTTGATACTTGATAGAGATGCAGATCAGTAGAGAAGAGTGGCTTGCGCAA

>trans_s_7478 M74077|T.aestivum ubiquitin carrier protein mRNA

CGACTCGTCTTGCAATTCTCCGAATGAAAAGAAGCCCATTACTGAACCCACTGCTCAGACCTCTGATGGAAGC
GGGGAGAAATCGTTAGAGCTGGCGGAAGAGTTGCTTGAGAAGGGATCCAAGGCCATGAAGGATAATGATTT
C

>trans_s_7479 Novel Gene

GCAAATACCTTTGGATTATTTCTAGGATTTTCAGTTTTCAATAGAAATTAGAACCCGGAAAACATCCAAGTTTG
GTTAATCTGGGGTTTTATGAGATCTGACACAATTTAATCCATATTTAAAAGATTAATTTTCCCCGCCAGG

>trans_s_7480 AF110449|Arabidopsis lyrata alcohol dehydrogenase gene, complete cds

ATTTTTGTTTCGAATTGGTCAGAGATCTCCCCGTTCCAAGGGGCTGCGTGACCGTTCTGTAAGAGACCGATTAT
GTTTGTGGGCAGCGCGGGCGTCGTCATCCCGATCCCGTCTGTGCTGACGATGCGAAGTTAACGCCCAAG

>trans_s_7481 EU557673|Solanum lycopersicum FAS protein (fasciated) gene, complete cds

TCGCTATGAGTTTCCTCTTCACTAGACCTTGATAGGGAGAACGGCAAGTATCTATCTCCAGAAGCAGATAGG
AGTGTTGCAACCTGTACACACTTCATAGTGTGCTGGTACATAGTGGTGGTGTCCATGGTGGGCACCGCCGC

>trans_s_7482 NM_114705|Arabidopsis thaliana GDSL-motif lipase/hydrolase family protein
(AT3G48460) mRNA, complete cds

AATGCATATCGAACAGTTATTAAGAATCCCAGCAAATACGGTTTCAGGGAGCGCTTCAAAGCCTGCTGCGGTG
TGGGTGAACCGTACAACCTTGAGTTATTTACTGTCTGTGGAATGTCTTCTGTCAGTTCCTGCAAAACCCCAT

>trans_s_7483 NM_111295|Arabidopsis thaliana SEC (secret agent); transferase, transferring
glycosyl groups (SEC) mRNA, complete cds

AATACTAATAAATTTGAATGGCTATACTAAGGGAGCTAGAAATGAAATATTTGCCATGCAGCCTGCACCCATT
CAGGTATCGTACATGGGATTTCCAGGAACAACAGGAGCCACTTACATAGATTATTTAGTGACCGATGAGTTT

>trans_s_7484 AY968421|Seyrigia humbertii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATTGTAGTCCAGAGAAGCGTCCTCAGCGGCGGACCGGGCACAAGTCCCCTGGAAGGGGGCGCCAGAGAGG
TGAGAGCCCCGTTGCGCTCGGACCCTGTCGCACCGTAGAATATCACTGGTAGACTAACAAACACCTTACGT
C

>trans_s_7485 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

CGCACCTATTGCCACAGCTGTAGATATAGGTATTTTGAAAATACGCCTTACTCCTAATGATGGATGGTTAACGA
TGGCTCTGATGGGTGGTTTTGCTAGAATAGGCAATAATGAGGTCACTATCCCGACGGGCTCGTAAAGAGGA

>trans_s_7486 AY968573|Xerosicyos danguyi tRNA-Leu (trnL) gene, partial sequence; plastid

AATGAACCAAACTTATGAATCGATTCCAAGATCTACAAGTTGAAAAATAATCGAATATTCATTGATCAAATC
ATTTACTCCATCATAGTCTGATAGATCTTTACTTCGGAGTATTAAGACTCGATCCTAGAATATTTTATCTA

>trans_s_7487 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

GGGGGGGGGGCTGTTAGCCGTTTTACAGATCTTCGGACCGAACTTCTGTCTCAGGCTACTGTTCTTGTGTTTTG
TTCCCTAAAAGTAATAGAGTAAGACAAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACC

>trans_s_7488 X87931|B.vulgaris mRNA for SIEP1L protein

AATGGAACGAAAAGCCGTGTCTCTGTATTACAAAAGCCCCAACTCTCCAAAACCAATGCGCTACTTCGCCGGA
TCTTCGAATTGGTTCACAATCCAGAAAGGCACTCTCGCAAGAGTCACTCTCCGAGCCGAGGTAGATCCTCCA

>trans_s_7489 XM_002871173|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATUBA2, mRNA

TGGGCGTATTGCGATACGATGACTACACTCATTTTCGATTTCTGTTGTCATCATAAATATAGTAAACACCCACGCC
GATTGAGAGGCACTCCATTGACATACTAAAAGGTTCCATTTTCTCGAGAGTCACAATTCGAAACAAAAATA

>trans_s_7490 X69940|A.thaliana chloroplast ACA1 mRNA encoding envelope Ca²⁺-ATPase

AACCTTGAACAACAATACTCTAATATCATTTTCTTTCTATGCTTTTGCTTTGCTTTTGATGCTCAATTGTTCTT
TTCAAACCTGTTGCAGGAGAAGTTCAGAGTTGCAGTTTGGTTTCACAAGCTGCGCTTCAGTTCATCC

>trans_s_7491 Novel Gene

CGAAGTTTCCCTCAGGATAGCAATTAGTTTTCGCTTTGAATGATTAAATTTCTGCTCTGTTGTGAATTTCATTTG
AGTCAAAAAGAAAGACGAGAGAATTTCTGTTCAACCAGCTTCATTGACGACTGCGCATCCACTCTGGAGAA

>trans_s_7492 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CAGCGTTCATCCTGAGCCAGGATCGAACTCTCCATGAGATTCATAGTTGCATTACTTATAGCTTCCTTGTTTCGTA
GACAAAGCTAATTCGGAATTGTCTTTCATTCCAAGGCATAACTGTATCCACATTTAGGGGCCTTAGCTG

>trans_s_7493 AF064552|Apium graveolens calmodulin mRNA, complete cds

TCCTTCTCCTCTCAATCGTTTCCTTGGTTAAAAAGACTACTGCATTTGATTACCTTCTCCAGTACTCACCCATGGC
GGATCAGCTAACCGATGACCAGATCTCTGAGTTCAGAAGAATTCCTGACCCACCCAGTGGAAGTAAAAG

>trans_s_7494 GQ997278|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 ribosomal protein S11
(rps11) gene, complete cds; chloroplast

TACCAAGAATCGGGGACACGTAGAAATGGACGTATTAGCTCACGTAAAAGTACGCGTAGAATACCAAAGGGC
GTTATTCATGTTCAAGCAAGTTTAAACAATACAATTGTGACTGTTACAGATGTACGGGGTCAAACGGTTTGTG

>trans_s_7495 DQ069466|Ranunculus macranthus ribosomal protein S2 (rps2) gene, partial cds;
chloroplast

GATGATGGAGGCAGGAGTTCATTTTGGTCATGGTACTAGGAAATGGAATCCTAGAATGGCACCTTATATCTCT
GCAAAACGTAAAGGTATTCATATTATAAATCTTACTCAAACCTGCTCGTTTCCCGGATCCCTAGGTGTCCCCG

>trans_s_7496 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete
cds

ACAAGAACTTGATTGAGGTGTTTGTCAAGGGTGTGACAAAGAGCATGTCATTCTGCTTGCTGCAAGGGCATC
TAGGACTGAAAACCAGGATGCAATTGATGCTGCCATGGTTGGAATGCTCGCTGACCCAACCTCTATGGAAGC

>trans_s_7497 HM122721|Malus x domestica WRKY domain class transcription factor (WRKY2)
mRNA, complete cds

GGCCATAGATACGCTGAAGAGCCTGCCAGACATTTGAAGATAGAAAGGGAAGAAGGGGAATTATCTCCAAAC
GGAGATTTTGAAGAAGATAACTTTGCCAATTACGATGGGGAGCTGAAAGCTCTGCCGACGGCGTAAGATTCT
G

>trans_s_7498 X66325|S.alba 18S, 5.8S & 25S rRNA genes

TGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCTGGCGGGACTGACGGGACTCGAACCCGCAGGACTTATGAACTGTCCC
GCCACGAGACTGGTTATGAACTACAATCCCCGAGAGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACA

>trans_s_7499 X87931|B.vulgaris mRNA for SIEP1L protein

GACCTCGGCCTATCGACCGAAGGGTGTGGGAACGCTTAGCGGATTCAGAGCGTAGAATCGCCATTCGAAGAG
CGAGTGTATATGCATTTGGCGTTGTGTTGTAGAACATGAGCTGAAATGGGGAGTTGGAGATGCTCAGGGGTC
T

>trans_s_7500 K00247|Spinach chloroplast Val-tRNA

CCGCTAAGAAGTTTCCCCACAAGGGCTATAGCTCAGTTGGTAGAGCACCTCGTTTACACGCGCGCGCCGCAC
GGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTGTGTTAC

>trans_s_7501 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

ATTAGGGAACGAAGTTACCGGGTCTTGAATACATCGGCAACTCGGTTGGTTTGAATGCGTTGAAGATTGCG
CCCGCTTCAATGTCCGATCTGTTTTGGGGTTGATCAATTCCGTTACCAGAAAACAGGTCAAATCACCCCTC

>trans_s_7502 FJ410943|Cucumis melo centromere-specific repeat C sequence

CAAGAGTTTAGGAGCTAGGGAGTCCGCAGTTGGCGCGGAGCAAAGGGAAGAAACCGTCGGGGGACCGCTTT
TTACCCAGGACGAGAAAACCTGAGTCCGGGGCATTCCCGCTCGCGTTTAGAACCTGCTCGTGGCCTTCAGGA

>trans_s_7503 XM_002336137|Populus trichocarpa peptide exporter, ABC transporter family
protein, mRNA

AGTGCTTTAGGGCGTCCCCAAGGCGCACCCCTGAGCGTTATCGCGTGGCCGTGGTTTACTCCCATCTGGCAAG
CGTGGGGTGTGTTGCGTCCCGATGTTGACGCGGTAATTTTAAACATGGTGGTGAATGTTGACCCAGTCCAA

>trans_s_7504 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

CAATTTATGACCTACCATACGATCCGTTATATAAACAGGCAAATGGTCCTTTCCATTATGAATAGCAATAGTAG
AGGGAAAGTGGTAAAAACATCGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGC

>trans_s_7505 AY224450|Oryza sativa (japonica cultivar-group) isolate 23225 eukaryotic initiation
factor-like protein mRNA, complete cds

TGAGTCAAGGTTCCAAGACTCGAATAATAGGATTCAAGTTTCTGGTAACCAAGGGGTTGGTACACCTGCTCTT
ATCAAGGCTGAAGTTCCTTGGTCAGTTAGACGAGGTAATATCTCAGAGAAGGAACGGGTTTTGAGAGAATC

>trans_s_7506 XM_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

CAGTTCTGAAGGGGGATTGTTGGGTATATTGACCCTCCAGTGCAAAAATCTTCACTACCGGAAAAGGCGAAGAG
CTTCGACATGAGTATGGGTGAAAAAACACGGGAGGTGGTGGAAATCTGGACGGAAATGAACCGAAAAACCC
T

>trans_s_7507 XM_002892539|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADP-ribosylation factor, mRNA

ATATTCACCCTGCATCCAGAACTGCGAGTCTCAGAAGCAAAGTTCGATATCCTTATGCCTTGTTAGCAATGT
TGTTTGAAAGCCAATCTAATCCCTCATAAAGCCCTCCCCGGAGGTTGCACAAGTGCTCTGGATATACCA

>trans_s_7508 GU901349|Heterostemma piperifolium voucher D. J. Middleton 194 (A)
phytochrome A (phyA) gene, partial cds

AGCATGTCAGCCACAAGGTGAGACCAAGTCATCAGCCGATTGTGTTTTACGAACATCTCCGTTTGTCTTTTCTT
AGTCGAGTGGTTTGTTCACGATATTGTATCTGGGAAGAAAAGTATTGTTATGTATAAACGCATAAT

>trans_s_7509 Novel Gene

AGGCCCTGTCCCTCGCCTGTCCACTACTCAGTGGTGAATCTGATAACGTAAGTCATCCTTTGATACCGAGCAA
CTAAACTGTCAACAGATGGGCGTTTCACTAGCATATTAAGTCGTCTGTACCCTTCGGAGCAACCGATCTC

>trans_s_7510 XM_003080871|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot08g03490) mRNA,
complete cds

TCTCGCTCTTCCCCCTTCTTAGGGTTCCTCCAAGTCCGCTTTTTGCTCTTCTACGCTCTTCTTTCTTTCA
ATCCTCTCAATTTCCCATTTTCAGGTGAAACATGGTGCCAAGAACCGTATGGACCTCCTCTGGCAT

>trans_s_7511 Novel Gene

ATTGTTTTCTTATATCATTAGGGAAACCGAATTTGCAATTTCAATCCAAGAATCATTTATGAATTCACAGTCAAT
AGTTAAAGTTAACGGTTCCTTTGCTCTGATTTTTGCTTTGTGAATGAAAATCCACAAAAAAAAAAAA

>trans_s_7512 FN563082|Pseudoscourfieldia marina plastid partial 23S rRNA gene, strain SCCAP K-
0017

GGCGTTCAGTTCGTGGCTTTAGACCCGAAACCGAGTGATCTAGCCATGTGCAGGATGAAGGTGGGGTAACAC
CCACTGGAGGTCCGAACAGTGCCCGTTGAAAAGGTCTTGATGACGTGTGCGATCCCCACTTTCCCCAATC

>trans_s_7513 NM_201706|Arabidopsis thaliana cytochrome c biogenesis protein-related
(AT2G07771) mRNA, complete cds

TGAGTCAATTGATATACCAATAATCAAGTTTTAGTCAACTGGTGGAATACATTGCATCAACCTGGGAGCATTAGCGGATTTGGTACATCAATACATGTTTCTATGCTCATTCCAATCTTGTCTAAAGGGTCTAACAAGGTCTT

>trans_s_7514 AF049111|Zea mays retrotransposon Cinfu-2

GGAATCTCTTGGAACCTTTACGTTTCGTACTATTGAATATACGAGAAGATATAGCGGTACTTAGATCCTTGAAAACGAACGTAACATAGTAAACCAGATGCATGGCCTTGACTATTGTAAGCTCTAATACGTCCTAATATGTGC

>trans_s_7515 FJ708672|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

TGCTTTAACCAAGGATGCGATAAGGTACCCAGATGATCCATATGACAGAATTTGGGATTGAGACCTTGAGAAAGGCAGAAATTATCTTGTGGGGGTGGCTCCAGGGACAGAAAGAATTAGCACATTGAATAACGCCGGCTTAAT

>trans_s_7516 NM_001185785|Oryza sativa Japonica Group Os01g0923700 (Os01g0923700) mRNA, complete cds

CAAAGTGGAGGATGATTATCATGAGATGATGGTACTCAAGAAACGGGCAGAAGATGCTGATATTGCCAAATCCAGTTCCTTGCAACTGTTTCCCATGAGATCAGAACTCCTATCTTACCACAAGATCCTTACAACGTAAACGA

>trans_s_7517 AB281192|Ipomoea nil DP gene for DUPLICATED protein, complete cds

CCTGAACCAACCAGCCCATTGTTTTTACAACATAAAAGGCCATGTAGTAATACCTAACCTAATCAGAAAGACCACCCATAGGAATTAAGAGAATAGAGAACTTGAGAAAGCAAGAGCTATGTTTTGTCCCCGACCCTCCCCTA

>trans_s_7518 AJ310676|Lycopersicon esculentum mRNA for Xaa-Pro aminopeptidase 2 (app2 gene)

AGTTTACTGGCCGCTCTGTTGAAGACAAGTTGAAGACTTTGAGAACAAAACCTTACAAAGAGAAAGCTCATGGTTTAATTGTGACTGGACTTGATGAAGTAGCTTGGTTGTACAACATCCGTGGGAGTGATGTGTCACGTCCT

>trans_s_7519 Z34465|Z.mays (B73) gene for extensin-like protein

ACTTCCCTACTATTCTACACCAGCAAGCGAGATTTCCCTTATTGCATTTTCCAACCGAACGAATCCGTCCCTTCAATTCCGTTCTTCTGTTGAAAACCTGTTCTGGGTCTGTTTACGGAGTCCGCCTCGTTGTCTTTTGGG

>trans_s_7520 AF479130|Viviania marifolia 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GTTCCATCGACCAGAGGCTGTTACCTTGAGACCTGATGCGGTTATGAGTGAGTGCCCAATTGTCGTAAGGTCCGCAACCCCGTCTGTGGGTTGAGCGTAATATATAGCGAGAGCCAACCACTCATCATATCCCGTTTCTGCC

>trans_s_7521 AB026185|Lithospermum erythrorhizon mRNA for elongation factor 2, partial cds

CTTGAGAGAGACACCCGAGCGCATTGCTTCTCAATAAATAACATCGCAAGTGATTTACAGCTTGTCCTCGAACTCGGAAAGTGGGGTCATTTGTTCTTCAACCCCTTCTTCTCTGATATCAGCAACCAACTGCGCAGCTTG

>trans_s_7522 U42810|Saxifraga integrifolia 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAAAGTAGCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCACATCTGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCA TCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATAGTGAATGGTCCGG

>trans_s_7523 AB237215|Carpinus tschonoskii chloroplast rps16 gene, partial sequence, isolate: AINUS3372

GGCATTTCATATCCAAGCCATATGTTTAGCCCCCTCGCCCAATTCGAACAAGTTTCAAAGAAAAGTGGGTTAG
TGTCATCAATAAGTTAAACTACTTCGTAAGTATAGGTTCCGTATACAAATCGAAAGGATCCAATTCGT

>trans_s_7524 XM_002323564|Populus trichocarpa ammonium transporter (PtrAMT2-2), mRNA

CCAAGGGACAGTCTAATTCCAGCTCTGTCCCAAATTACCTAATAGCGCAAGGCAATATCCCTGAGAGTGGCG
CTAACGATGGAAATGGAACGCCGAGAATTCAACCCAATGTTCCCATGGCTTCACTTGTGTATTTTCATAAA

>trans_s_7525 AJ292767|Nicotiana plumbaginifolia partial mRNA for RNA Binding Protein 45 (rbp45 gene)

TCAGTAGAACAGCGCCCTCCCCTGGGGATGCCAGTTCAATCTAAAATTTTGTCGCCCATTTGGGCATGGCGGT
GCCATTATAAGTTTGAAGTACTCTTCTGCAGCTGGACGAGTTAAAAGTCAATAAAACCGTAACCCCTCG

>trans_s_7526 XM_002325402|Populus trichocarpa cationic amino acid transporter (PtrCAT3), mRNA

GTTGCGAGTACTGCTGAAGAGGTGAAAAATCCTCAACGAGATTTGCCACTTGGGATCGGACTTTCATTATCTC
TTTGCTGTGCACTATATATGATGGTCTCAGTTGTGATTGTTGGTCTGGTGCCTTATTATGAGATGAGCTGA

>trans_s_7527 GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

AGCACTAGAGAAGGAACCGTCACTGAAGAAGAGACTGGAGCTTTAATGGAGGAGTTGAAGAGGGTTAGTGC
AGAGAACAAGAAATTAAGTAAATGTTGACTGTTGTTTGCGAAAATTACAACACTTTGAGAGGACATTTGATT

>trans_s_7528 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AATTTGCAAGCACGCTGGCAGATCTCTGTAATATCAGCACCACTAAACCTTGAGTGTACTTGGCAAGGGCTC
TAAGGTCTACATCTTTTGATACTGGCGACTTCCTCAAGCAAGCCTTGAAAATTTGGTGACGAGAATCCTCG

>trans_s_7529 NM_001070545|Oryza sativa Japonica Group Os10g0100700 (Os10g0100700) mRNA, complete cds

ATTGCTTGGTGCAAGTCAGGGTCTTTCATTGCGGGCGTGGCTGTTTCTTGGACTCTGTTCTCTGAATGGGGTG
GTACCCGCAAAGTGATATGCGGGCTGATGAGTACCCTTCGGCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTT

>trans_s_7530 X58118|F.ananassa 26s rRNA gene

CACATGGGTTAGTCGATCCTATCTCTGAAAAAGGGTTTACTCTCGAGACGCTGGATTGAACTTCGAAAGGGA
ATCGGGTTAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCTAAGGCCTCTGCAACCGCC

>trans_s_7531 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

GGGCTTTTTACTGGCTGTGGGGATGTACTGCAAAAAAGGACTCAATTATGTAATGATAAACTAAAAAGACT
ATTTTTAAAAAATTCCTTTTATTCCTCTCGCCTTCCACCTAAGCTGCGCAGGAAAGGCCCAAAGCCAAT

>trans_s_7532 GQ997526|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333 RNA polymerase beta" subunit protein (rpoC2) gene, complete cds; chloroplast

TTTTCATCCCCGAGGAAGTGCATATTTTACCAGAATCTTCTCCATAATGGTACGGAACAATAGTATCATTGGA
GTAGCTACACGACTAACTTTAAGTATAAGAAGCCGAGTAGGTGGATTGGTCCGAGTGGAGAAAAAAGG

>trans_s_7533 EU007436|Catharanthus roseus elongation factor-1 alpha mRNA, partial cds

AGAGGCCCTCAGACAAGCCCCTCCGTCTCCCACTTCAGGACGTTTACAAGATTGGTGGTATTGGAAGTGTCCCT
GTTGGACGTGTTGAACTGGTATCCTCAAGCCTGGTATGGTTGTTACGTTTCGGTGGTTGACCTGACTGT

>trans_s_7534 GQ983590|Quintinia quatrefagesii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCTGTCGTACCGGGCCTGGGTCTAGCTCAGATATTTTATGGGTAAAGACTATTCCCCGACAGCACAAAGGTCT
CATCGAGCTGGGATTATCAAACATCATCAAAGCAGAGGGAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGT

>trans_s_7535 AB601010|Dahlia pinnata DvIVS gene for bHLH transcriptional factor, complete cds

CAGTTCGATTGGAAGATCGAACTCCCAAAATTTTACTCAAAACCTTGCGATATCGAATTCTCCAGCATCACTC
GTCTGAGATTCTTGCTTTTGGATTCTCAGGCCCTTCTTATTGCTGGTACATTTTCTTTGTTTTCCACTC

>trans_s_7536 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AAAAATGATCTTGGAGATTGTGTAATGCTTACTCTCAAACCTATTGTTTATACAGTAGTAATATTCTTTGTTTCT
CTCTTCATTTTCGGATTCCTATCTAATGACCCGGGACGTAATCCGGGGCGTGAAGAAGCCAAAAA

>trans_s_7537 NR_022701|Arabidopsis thaliana (U4.2) ncRNA

AAAGAGCCTAAGCCTGCGGAAGAGAATGCGCTTGGGGCAATGACGCAGCTAGTGAGGTACTAACCGAGGCG
CGTCTATTGCTGTTGAAAACCTATTTCCAAACCCCTCTTTCCGGACCCGAGGGTTTTTTTTTTTCAACCA

>trans_s_7538 XM_001695794|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TGAGTCTGAGCATGATCTTGGTGAAATGAGCAGGCCACTCAGTCTGTTGTTGTAGCTGATGAAGAAGATGAT
ACAGAGCCAATTGTTTCTGCTGGCGAGGAGGCTCAGGAAGAGACTCAGCCCATTCTGCCTCAACCCAAA

>trans_s_7539 HM004529|Zea mays auxin response factor 14 (ARF14) gene, complete cds

CTTTTGTATACACCCCCTACGCCCCCCCCAAAAATAGTTGAATTGAGAAGGAAATGGAATTTAGTCATCGTCTT
CGTCTGGATCAAAATCCTTGATCTTCACATCTGCATCTTACCGTACTGAATGCAGTTATCAATTTGGG

>trans_s_7540 AF323024|Arabidopsis thaliana box C/D small nucleolar RNA R87, complete
sequence

ATCGCTGTGACGACTCAGTAAATCAAGCTCAACAGACCGGATTGCAGAGTAATTCCTCTTCTTCTTCTTGAA
TGAGTGAAACGTCTTTCATGTCGACTACCCCGCTGAACTGAGCCATATGGACCCGAACCTGGGTGATC

>trans_s_7541 AY573572|Populus tremula x Populus tremuloides cellulose synthase (CesA2)
mRNA, complete cds

GGAGGTTCTCACGCCACACATTTTGACCGAGGAATACCTGAATCATTCCAGGATGATCCCGAACATTGTTCCC
GGGCCATGGAGTTCCATCCTGCATTGTCCACCCATCTTCAGGAACCTTCTGAGCCATAGCAACAAGCCCA

>trans_s_7542 BT000859|Arabidopsis thaliana At1g69890/T17F3_8 mRNA, complete cds

ACGGCTAGATTCGTCGTCGAGTGGGAACCCATCAGAGAAGGGTCGCAAGTCAAGTTCAAGACCCGATATGG
GAACTTCTTGAGAGCTAATGGGGGTCTACCGCCTTGGCGAAATTCGTGACAAACATTATAGGGCTTAGCTT

>trans_s_7543 AY057225|Prunus avium polyubiquitin mRNA, partial cds

CCGCATGATGCGGACGGGAGGAACAGAGTGCAAATCTTCGTTAAAACCCTAACCGGTAAGACAATCACCCCTT
GAGGTTGAGTCGTCTGACACCATTGACAACGTGAAGGCCAAGATCCAGGACAAAGAAGGCACCCCCCAGG

>trans_s_7544 X54694|Beta vulgaris subsp. vulgaris mitochondrion DNA for repeat II (partial)

TTCTACAGGCTCCACTCTCCCCGTAAGGCCCGTTAGCATGGGCGAAGATGGGGATAAGGAATAAGGATTGA
AGCCCCCTTAGCTCTGCCAGGGACTGGGCAGGGTTTAGCTTTCTAAATGTGTAGAGCCAAGTCTAGTGTGG

>trans_s_7545 FJ014479|Camellia sinensis 50S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

CAGAAATAAAGTTCGACACACTTGGCAAACCGAGGGGGATGGATGTTTGTATCACAACAACAGCTGAAACCG
ATCAAGAAGCTCAGCGACTCCTGGCTCTCATGGGAATGCCTTTCAGGGAGAGTGCTGGTGCCGCAGCTGTA

>trans_s_7546 X03570|Oenothera elata subsp. hookeri plastid gene for pre-apocytochrome f
(Euoenothera plastome I)

GGGTTGATCATACATAATTTTTAAATAGAAATTGCCAACAAGAATTTGGTTTTTTTTACGAACTTTATTTGATAAA
TCCCCAGATTTAGAAATTCATTTCCGACAATTGAACCTTCTCAAACCTGCTAACCTAGCCTCCTCCGTC

>trans_s_7547 Novel Gene

AGAAGGGGAAGTGGGTTGATCTATTCTATGGCGAAGCATCCGAAGCATAACTGCACACTCACACGATCTTTGC
CGAGAGATAGGAGCATTCGGTGGAACCGGTGAACTACACTTGCTTCTGGATAGATGTGTGGGACAGAGTG

>trans_s_7548 EU870518|Nicotiana tabacum RAV mRNA, complete cds

AGAAACACCAAAGAGTGTGGCTCGGCACTTTCAACGAAGAAAACGACGCCGCCAAGGCTTACGACATCGCCG
CCCTCCGCTTCCGTGGACGCGATGCTGTACCAACTTCAAACCTCCCTCAACCACGACCACGACCACGCC

>trans_s_7549 L43353|Chlamydomonas geitleri chloroplast large subunit ribosomal RNA (rrnL)
gene

AAATGTGGCCTAGTCAGGTTGTGGGTTCTGGGCCTCCAGTCAGTGTTACCTGACCTTCACCCTGGACATGGGTA
GATCACACGGTTTCGGGTCTACGACCACATACTCTATTCGCCCTATTCAGACTCGCTTTCGCTGCGGCTC

>trans_s_7550 CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

TGGCCTGCCCATTCCAAGTATCTCTCAACCCGGAACCCGAAGCTCGCTTCCGAACCTCAAGTAGCGGTGATCTC
TGGAGGAAACCGCGTGAGGTCAACCCTGTGAGATGATACACAAGTTTATGAGGTGATTGTTCTTCGCC

>trans_s_7551 FJ708686|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

GGAAGTGGTTCCGGAAGCAGAACTACAGTGGATTTGGTGATTCTCACGTCATTGAACTGGAAATCTAGTCA
TATCTGTACAAGTTCTACGAAACGTGACAAATAATTTTCTTCAGAGAATGAACTGGTCGTGGTGTTAA

>trans_s_7552 AB079577|Suaeda japonica mRNA for RelA homolog, complete cds

TGTCTCAACTTAGTCATTTGAGCAAGCTTGCACGCGAGAACAATACAGCCAACAAAAGTGTGAGGCAGATCG
CTTGCATACCATGTTCTTGCCATGGCAGACACTAGGGCCGTTCTTGTGAAATTGGCCGATATGAGTACG

>trans_s_7553 AY337616|Gossypium barbadense Gbiaa-Re (iaa-re) mRNA, complete cds

TTGACCGATGGTGAACCTGAACATATCCTCCAAAGCCTTAAGAAGCTCAGGATAGCCTTTATAAACTCAGAT
CAATCTTCCTCAAATAAGGAGCACCATCCATACTGACTTTCACATAAAATCCCTCCGCCGTCCACTGCCG

>trans_s_7554 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

TTTCTATCTGTCTCTGGTAGGATGATATATAATCACCCAATGGTTCATGTTGAATTTGGGCTTCCTCAACTTGCC
TCAAAGGAGGAAAAAGCAATGCAGGTTGGGAGAGTATCCGGAAGAGTAGCGCTGCTGCAGTATCAGCA

>trans_s_7555 GQ923778|Dimocarpus longan cultivar Honghezi auxin response factor mRNA,
complete cds

TCGGTCTTGGAGATAATGCGTCACCTGGGTGGGCAAATTCTGAGTGGCGATCTTTAAAGGTGCAATGGGATG
AACCTTCATCTATCTTGCGTCCAGATAAGGTGTCTGCTTGGGAGTTGGAGCCCGAACAACGACTCGGTTTC

>trans_s_7556 GQ916670|Retama sphaerocarpa 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene,
partial sequence; chloroplast

AAAATGCGTTCGCTCTGTTGGCGTTTTCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAACTGCCA
GCTACTTCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCTACCGATGCATTTTTTGTACATCCACACTCTTCG

>trans_s_7557 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete
sequence

GAGGAAGTTTCACGTTCAAGGATAGTTTACCACTGTTACCTTTGCTTAAACTTCAAACTTCAACTTCAACATGC
ATCTGAAGGCGTTTCTTGTAAGTATATAGATTTAGCGGGTCTTAGCGGGTGTGCGAGGAGCGGCCTA

>trans_s_7558 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

GTCGTGTCCTTCAGCAGAGTTCTCTCAAGCGCTTTGGTCTACTCGACCTGACCACCTGTGTCGGTTTCGGGTAC
GATTCCAGTGTAAGCTTAGAGACTTTTCTGGAAGCATGGTATCAGCCACTTCGCTAGTAACT

>trans_s_7559 AY568082|Nicotiana linearis chloroplast glutamine synthetase gene, partial cds;
nuclear gene for chloroplast product

AATTCAGTAGCGAGTTTTTTTTTCAAATATGTGCTATTCTGAATGAAACGAAGAGTAACTAAAGAAAATGAGCC
CAAGGATTGAAATGAAATGCAGTCATCAGTCATGTGTCAACGCCTTTCTCCATGAAATCTGATCTCCGT

>trans_s_7560 AF142596|Nicotiana tabacum LRR receptor-like protein kinase mRNA, complete cds

CCGTGCGCTGGATTATGACTGAACGCCTCTAAGAAGCGACATGGCAGTAGAGTGCAGAGTCCAAATACTGTG
GTGGTACATCCTAGTCATTCTGGAGACCAAACGGATGTGAACTAATGTTAAACAGACCGATGATCCAGCTT

>trans_s_7561 NM_116309|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein
(AT4G00830) mRNA, complete cds

CGGTGGACGTGACAACAGGGGAGGTGGTGGCGGTGGATCTGAAGGTGGATGGAGAAATTAGACGGGGGAT
TATGATTTTTTTTTAGCTTTTGGCTTCGAAATATTAGTGTGATGATCGCAAGGGGGATCTTCGCAGAGCAGAG

>trans_s_7562 U09988|Glycine max Williams 82 mitochondrion NADH dehydrogenase subunit I
(nad1) gene, exons D and E, partial cds, and maturase-related protein (mat-r) gene, complete cds

CAGTGTGAAATTCTCCTCCACAAGACTCTTTCTTTTTTCAGGGCTTGGGTACGAGAACATAATCTTCATCAAT
CCGGGTCGAAGTTTAGACCGCTCACAGTAGTTCGACCTATAGAAAAGATCATGAAAGAGGAGAGAACT

>trans_s_7563 L43357|Chlorella vulgaris chloroplast large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene

TAGCCCAACCATTACGCCCTACTGGGGGATCGCGAAACAGTGCTCTACCCCGAAGATGAGTTCACGAGGCG
CTACCTAAATAGCTTTCGGGGAGAACAGAGCGCTCCCGGTTTCTAACCGGAAAGTGGGGGTCGGTGTTC

>trans_s_7564 NM_001189063|Oryza sativa Japonica Group Os09g0569300 (Os09g0569300)
mRNA, complete cds

CGCACATAAAAAATCCGATGATACACAATATTCCAGAATAACAATCAACACCGCCAAACAAACAGAAACACTCC
AGGACGAAAAGTCAAACCATATATAGATGATGAAAAGGAACAAACCATAGAAGCACCGTAAAAATTCAGC

>trans_s_7565 NM_118637|Arabidopsis thaliana ACP4 (acyl carrier protein 4); acyl carrier (ACP4)
mRNA, complete cds

GGTGCACTGAAGCAGCCAGATCCCTATGAAGAGGAATTGCAATCAAGTTCATGGAATCATGTTGAGGAGGTG
GAGAATGTGAAATTCAACTCAAATGGGAACAGACCAGAAGAAGTAGTAGTGTAGTCTCACTCTGTCTGTT

>trans_s_7566 AY919620|Populus trichocarpa class III HD-Zip protein 5 (HB5) mRNA, complete cds

TACCTGGTTGATCCTGCCAGAAGCAGAGGAAGGAAGCATCACGCCTTCAAACGTGAACAGGAAACTGACAG
CGATGAATAGACTCCTAATGGAGGAAAACGATAGGTTGCAGAAACAAGTGTCACTTGTGTATGAGAAG

>trans_s_7567 NM_126229|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G01680) mRNA,
complete cds

GCAAATATAGCTGATAACATGGGTTTCCAAGTATTTTGCCTTCTAAACACTACATCTCTATTTATATCTTTAGCC
GTTGTGGTAGTTCAAATTACTTTGGTAGCATGGGACACGACAGCTCAAAGATGAACCACGCTGTGATG

>trans_s_7568 GQ244882|Drosera rotundifolia isolate 1712o tRNA-Leu (trnL) gene, partial
sequence; chloroplast

ACACCGACCGCTCCTCTCCTTCTAACCTCAGTCGAGTGGCTTCGCTCCTCTCCTATATTTTTTCTACGAGTACC
TTCGCTCTGAACCTTCTAACCTCAGTCGAGTGGCTTCGCTCCTCTCCTATATTTTTTCTACGAGT

>trans_s_7569 XM_002869283|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ABC1 family protein, mRNA

GGAGCAGCAGCTGCAAATTCCTTCTGCGGAGATTTTCTTCCAATTTCTATGTCTCAGATCTGACTTTAA
TCGAGCTCGTACTCTTCAAGGATGGAGTTTTTGGGTGGAAAATCCTAGAAAACCTCCGCTTCTATTTTT

>trans_s_7570 AY105581|Zea mays PCO150618 mRNA sequence

CATGGTGGTGGTAACCATCAACATATTGGTCACGCCAGCACTGTCCGCCGTGATGCACCTCCTGGTCAAAGG
TTGGTCTCATTGCAGCAAGAAGAACTGGTAGGCTCAGAGGACAAGCTGCAGCAACTGCCATGCCCTAAAG

>trans_s_7571 CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

TGGCCTGCCCATTCCAAGTATCTCTCAACCCGGAACCCGAAGCTCGCTTCCGAACCTCAAGTAGCGGTGAGAG
ATGGAGGAAACCGCGTGAGGTCAACCCTGTGAGATGATACACAAGTTTATGAGGTGATTGTTCTTCGCC

>trans_s_7572 DQ008660|Nuphar sp. Qiu M114 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTCAAGGAATTTAAACCCGATTCCCTTTGAAGTTCGATAGGTC
GCAGAGGAGAGTAAACCCTTTTTCAGAGATAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGGA

>trans_s_7573 EU591523|Nicotiana tabacum pollen-specific C2 domain containing protein mRNA,
complete cds

TTTTATCATCCTTGCTAAATGTGTCGTGATCGTAAACCGTCAGTTTAATGGGAAGGTTGCGGTCACTAACAGAG
AGAGTTAGATCTTCATTCCAGCACTTCGGTACATCCTTCTTTATCACCCGTGTCTTTAATTTTGCTTT

>trans_s_7574 EU432047|Picea abies geranyl diphosphate synthase 2 (IDS2) mRNA, complete cds

TGGCCTGCCCATTCCAAGTGAGAGACACAAATTCCAAATCCTAGATAGGAATCCAAGACCTGCTATTGTGCGAG
ATGGAGGAAACCGCGTGAGGTCAACCCTGTGAGATGATACACAAGTTTATGAGGTGATTGTTCTTCGCC

>trans_s_7575 XM_002326701|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,
ABC transporter family, mRNA

AGAACTGACGTCTTTTATCACTCATTTACTGCACCGCCACAGAAAAGCAAAGAAATTTTCTTGATCTCATGTTG
AGTTGTATCCCAGTCCATGTAAAAAGCAACAAGAGCCTGAGAGACCCCAAGAGCAAACAGGGGCATCTG

>trans_s_7576 NM_001069344|Oryza sativa Japonica Group Os09g0298400 (Os09g0298400)
mRNA, complete cds

TATATCAAATGTTCAAACGGGACGAACGGTTCATCAAATTCCTTGTCGGGCTGCAATGAACAGTGTGGAGTGG
AATCCAAAACATAATTTACTTGCATATGCTGGGGATGACAAGAACAAGTATCACATACATGAAGGTAAAA

>trans_s_7577 DQ353867|Tinospora malabarica 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGTATTTCTTTGTCTTCATATACCATATAAGGTACGGGCAATATAGGAAAAATGTAGCATTAACTAATTTGCAA
TTGTGGATACATATGGATCCTTAACAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGAT

>trans_s_7578 DQ125945|Populus tremula x Populus alba glutamate decarboxylase mRNA,
complete cds

ATTCGCAATTGACACATACATATATCAATAGTAGATATAATCCTTTCTTTCCATCTCTAACAACTCCATTCGTC
TTCTTCTTTTCCATCACAACTTCCTCCAAGCAGTTGTGATCTCCCTCTGTGTCTCAAGAGCACTCT

>trans_s_7579 NM_001052369|Oryza sativa Japonica Group Os02g0138000 (Os02g0138000)
mRNA, complete cds

GATGGTCCCTGCGGATGCTAGAGCTATGACACAATCAAATCCGAACGAAACCCCGTGGTCCGGTCCGATGCA
ACTGAGGGCAGTTTTTGGCGGCAGACGGGGGTGCAGGTAGTGGGGCGGGGAACCAATGGGAGTATCGACC
C

>trans_s_7580 XM_002893447|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata U-box domain-containing protein,
mRNA

AGAGGAAGGAATCAATCGTAGCTTATCTTTGCATCTCATGAGGAAGTATTCCAAGTTATTTAGAACCGAAGT
ATCGGATGACAATGATTCACAGGGTTCTGGACCTTGTTACCCACTGTTCAGGGCTCTCTTGATGACAGT

>trans_s_7581 NM_001049879|Oryza sativa Japonica Group Os01g0559600 (Os01g0559600)
mRNA, complete cds

ACAGTGTTGCTTGGTTGGAAGACAGTGATAATCACAATTTGAAGACAGAAAGTTTACGCCAGCAATACGAACT
GGTGAAAAAAGGACGCTAAGTGACCACGCGTACGCGTTGGAAACGTGACGTGTGCGCAACACGAGCAAG

>trans_s_7582 Novel Gene

ACTGTACTAATATGTGTAGGTTCTTGTAATTTGAGTGAGATTGTCATGGCGCAAAAGCAGATATGGTTCGGTA
TTCCCTTGTTCCCTGTATTGGTTATGTTCTTTATTTCTTGCTAGCAGAACTAATCGAGTCCCCGGGTC

>trans_s_7583 AJ302023|Clarkia delicata partial pgIC2epi gene for cytosolic phosphoglucose
isomerase, non-functional splice variant, exons 1-21

CCTGTGGGCTCCCCATTCTTCTTTTACTCTACACTGTGCGTCACTTGTCTTCTTGTGGGTTATGGTTGTTGG
ATTCTGGTTTCACTTCCAACTGTTCTGGTCTGGAGCATCCAAGTTAGGAGACTGAGAGAAAAGGGT

>trans_s_7584 Novel Gene

TATACCTTCATTTAAATGGTTGGACATTTGTTTTGAGGGCATAGATTAATTATACACAGGTCTTCTTGCGACAC
AGTTAGCTTCTTATCAACGCACAAGCTTTCTGTTACTAAATCCCTGCGTACATATAGGAAGAACGTCC

>trans_s_7585 NR_022054|Arabidopsis thaliana (AT1G07728) otherRNA

AGTCCTTCTCTCAAAGCTCGATAGCAAAGCAGAGCTCTACCACGACGCGCCTCTATCGTACATCTTCCTCGCTA
ACAATCTCGAGTACATCGTCGTGAAAGTACGAACCTCAAATCTCCGATTCGTTCTTGAGATGAGTGAG

>trans_s_7586 Novel Gene

CGGGGAGCTTCGGGGGGATCGGAATTCGATCCTCCGATGGATAATTCCTTGCAGATTAAGAGAATCTGACAA
TGAACAAAGATATCTCAGAAAGCCAGTTCCTCATTTATCCCGTAGGTTCTTGGCTCGCTATGCGTTCGCC

>trans_s_7587 FJ594487|Gossypium hirsutum beta-tubulin 14 mRNA, complete cds

AGTTTGTCAATTCTTTGGGTGGAGGTACTGGATCTGGAATGGGAACACTTCTGATTTCAAAGATCAGGGAGGA
GTACCCAGATCGCATGATGTTGACATTTCTGTATTTCTTCTCCCAAGGTTTCAGACAGAATTGGTTACT

>trans_s_7588 XM_002873176|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase M50 family protein,
mRNA

AAGGAACTCCCATATCCCTGAACCCTCTTGATATGGGCTTGGGCTGGACTTCTCATAAATGCCATCAACAGC
ATCCCTGCTGGAGAGCTTGATGGTGGGAGAATTGCCTTCTCAACGCAAAAGTTCCTTACGACGACAG

>trans_s_7589 NM_100636|Arabidopsis thaliana PLL5; catalytic/ protein serine/threonine
phosphatase (PLL5) mRNA, complete cds

CAGGGTGTCTCGCTTCCCAAGCGTTATATCTGGCTCCGCCTTCTGCGCTAAACTGCTCGGCTATCACCAACAT
TCATAACATAAACATCATCTCCCTTCATAAGCATTACAAGCACACAAGAACCCATCAAAGCCAGTTTCG

>trans_s_7590 AY640053|Corydalis saxicola 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCTGTCAGCCCCCGTAAGCATAAAGTATCAGTCTCCACTTTAAGAACCCTCGCCCCGCCGCGCCTTGCTTTGC
TAGGCGAGGAGCCAGTGCGCGGACCATCGTTGCGCAGACTCGCGTCGCGAGTGCCTATAAGGCGTGAA

>trans_s_7591 GQ998656|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 ATP synthase CF0 subunit I
protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

CGGAAATAAGACTCTTTAAGGGTATATAGAAAACTTACATTTGAGCCTATCCTCTTTTCTCTATTTCATATTCCA
CAAAGAAAAAGAAAAAAATATGGATCATTAATCCAAGACCCGAATACTCGATCTGTGCGTGTTCATC

>trans_s_7592 M72889|Solanum tuberosum U2 small nuclear RNA, complete CDS

GATCCCCCTCCGGGTAGTGTTATCGAACGCTATTGGGGCTTTCGAGCGTCGCCCTTGC GTTGCACTACTGCTT
GGGCCTGGCGCACCCCTCGATCTATGATACCGCGGCCATACCCATTGTCGTTACCTTTGGACGACACT

>trans_s_7593 GQ890337|Urmenetea atacamensis voucher TEX:Panero & Crozier 8446 NADH
dehydrogenase subunit 4 (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

CGCTTCAAACGGGGCAGTGTGCCCCAATATCACCACTTTAGCTACTTTAGCGGCTTGCCAGTTACTCGAGATT
CCCGATTATTCCATTTTCTAATGTTAGCAATGTATAGTGGTCACCGCTGATTGCCCTCATCATCTCA

>trans_s_7594 EU017282|Trachelium caeruleum photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,
partial cds; chloroplast

CTTTGGAATATTATTTTCGGGCTGAAGAACGAAACCCGTTCTTACCACAAGCTTTTAATAATATGGCTGTGATC
TGTCATTACCGGGGAGAACAGGCCATTCGACAGGGAGATTCTGAAGCCATAAGAATCCAACCTGGCTG

>trans_s_7595 EF423762|Camellia sinensis cv. UPASI-10 acetyl CoA carboxylase (ACC) mRNA,
partial cds

CAGTCTGAAGCTTTAGAGGTCCGAACCGCGGTCCCGGCGGAGCGCTAGTGTCGCCCCGAGTTCGACAGAGACG
GGGAGGCGGAGGCAGGGGGGAAGGGTCCATCAAAGAGGATCTGAAAAACACCCGCGAAATTGTGGGTCAC

>trans_s_7596 NM_001073600|Oryza sativa Japonica Group Os12g0568800 (Os12g0568800)
mRNA, complete cds

CAGACGTCATAGATCAAGATCAGGTGAACAGGATATTGACAGCTGTTGTACAGGGAATGAATGCATCCGAAG
GAAACAATGATGTACGACTTGCTGCCACTCGATCTTTGTACAATGCTCTTGGGTTTGCTCACTCAAACCT

>trans_s_7597 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

AACCTTTAGAAGCACATTTAATACAAGTACCGAAATGGAAGGAATCTCTCGTTGGGTAAATGGAAAAAGACA
AATTCAATATGAAGACGGTACCCGCTTTTATCCTGGACAATCATCTGTCCAAAAGTGTGATAATTCATC

>trans_s_7598 FN394397|Hypochoeris incana chloroplast partial ndhF-rpl32 IGS and partial rpl32
gene, isolate NP-4bisA

ATCATATATAAATGGGCGGGCCCCGCGATAAAGAACAATTCATTTGAACAATAGATGTCTTTCACATCCAACTA
TAGTAATGAATAATCAATTATAATTTGTAAATGGCAGTTCCACCCCAATACAAAGAGGCGAGGCCCC

>trans_s_7599 NM_001062366|Oryza sativa Japonica Group Os05g0475400 (Os05g0475400)
mRNA, complete cds

GATGGCTAGACTTTACACTGGATGCCACGACATAATATCACTAAGGAATGCTTATCATGGAAATGCAGCAGGG
ACCATGGGGGCCACTGCACAGAGTATCTGGAAATTCAATGTCATACAGAGTGGAGTTCATCATGCTTTG

>trans_s_7600 NM_122180|Arabidopsis thaliana ATCSLA02; mannan synthase/ transferase,
transferring glycosyl groups (ATCSLA02) mRNA, complete cds

TATGGGAATTGTTATCATTCTGGTTAAGCTCTTTTGAAGAAACCTGAGAAACGATATAAGTATGAACCTATTC
AGGATGATTTGGAATTGGGAAGCTCAAATTTCCCTCATGTTCTCATTCAAATCCCAATGTTTAACGAA

>trans_s_7601 XM_002889933|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl transferase family 17
protein, mRNA

AATTTGTAGTCTTCTGCATTTTCCAGCAGATACGATGGCAAGTGAAGTCTGAGAAAGAATGAGGAACTGGTC
CCATTTTCCCAATAATTTCTTTGAAAGTGTACTCCTCTGGAAGCATGTCAAATAGGTCGGAACCTTGC

>trans_s_7602 XM_001691822|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TAGAAAGAAAAGAACTTAAATCCCCCGCAGGCCGCTACGTTATCGCACGGGCGCACCCCAGGAGCAAAATCT
ACACATACCGTTCTAATGCTCACTGACCTGCCCCGAACCGAACATCCCGCCGGGCTAGATACCTGTCCAT

>trans_s_7603 AF133209|Nicotiana tabacum CLC-Nt2 protein mRNA, complete cds

AAGAACTTTCATTGAAATATGCAAAGCAGGTGAATGTGGGCTGTTTGGAGAAGGAGGTCTCATCATGTTTGAT
GTCAGTGGTGTTTCTGTAAGTTACCATATCATGGACATCGTTCCAGTTGCTATCATTGGCCTCTCCAAC

>trans_s_7604 FJ708672|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

TCTTATCAAGAATTCATCACCGGAATTTGGTCCCTTTGATCGGATACTGCGAAGAAGAACATCAACGGATACT
GGTATATGAATACATGCATAATGGGACGTTGCGAGATCACTTATATGGTTCTACGACGATCATCGACTT

>trans_s_7605 AY108493|Zea mays PCO117005 mRNA sequence

ACCTAAACAGGTTGTGGCTTGTGGCTTAGTGGACGGCAGAGTTGGGGGCAGACTCAATGCTGATTTCTCTG
GGTCGCTGGTTCGATCTGTTTGGGTATGAAGAAAGAAGGGAAACAATAATAAGGCGCAAATACCCCTTGG

>trans_s_7606 NM_001161003|Arabidopsis thaliana TSD2 (TUMOROUS SHOOT DEVELOPMENT 2);
methyltransferase (TSD2) mRNA, complete cds

AATGAATCAAACCTTCAGAGAATTTGGGGTAAGAACCATTCTGGATATAGGGTGTGGTTATGGAAGTTTTGGA
GCACATCTTTTCTCAAAACATCTCTTAACGATGTGCATAGCAACGGCGTCTTAGAGTCCGTCAGTCCAAG

>trans_s_7607 NM_001072826|Oryza sativa Japonica Group Os12g0176200 (Os12g0176200)
mRNA, complete cds

TGTTGTATTATTGGGATTTTGGCCTGTTCAACCGTCACATGTGCTTATTAATTATGTATCCTGCAACTGATATTG
TTATTGGGAACATATTGTAGGGTTAGGGTTATTGGACCATTAGTGACACCAACATGGAATCCCCCGC

>trans_s_7608 XM_001691822|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TAGAAAGAAAAGAACTTAAATCCCCGCAGGCCGCTACGTTATCGCACGGGCGCACCCCAGGAGCAAAATCT
ACACATACCGTTCTAATGCTCACTGACCTGCCCCGAACCGAACATCCCGCCGGGCTAGATACCTGTCCAT

>trans_s_7609 HM043720|Salix sachalinensis cellulose synthase 3B mRNA, partial cds

AGGTTTGGCCAGTCTTCTGTTTTTGTTCCTCAACCCTTATGGAAAACGGTGGTGTTCCTCAATCCGCAACGCC
CGAGTCTCTTCTGAAGGAGGCTATTCATGTTATTAGCTGTGGATATGAAGATAAACGGACTGGGGAT

>trans_s_7610 DQ137282|Monocladus saxatilis voucher YHQ057 (KUN) granule-bound starch
synthase (Waxy) gene, partial cds

TCAACATTGACACTTTTCTTCCATAGATTCAGAAACAGTGTTGTTTCATCCAAAACAGATATACAATTGAAAAA
GATTTGCAAAACCAACAACCTACCTCAACTTGCCAAGAACCCCAGCTTCTTCAAGTGACTCTCTAG

>trans_s_7611 X68040|Oenothera elata subsp. hookeri mRNA for ribosomal protein (rps12)

ATTGTCGGAGTTTCAGCGCCACCGGAAAGATTTGCCAGGTGTGAAATTCCATTGTATTCGAGGAGTCAAGGAT
TTGCTGGGAATTCCGGATCGAAGAAGAGGCAGATCTAAATACATTCCGGGCGAAGGCTGCGGCCCATGG

>trans_s_7612 NM_179963|Arabidopsis thaliana FAC1 (EMBRYONIC FACTOR1); AMP deaminase
(FAC1) mRNA, complete cds

TGCTTTGGCTGCTTCAAGTATGATTGATCTCATAGTATATCTGGCGATCTACATGGTGTTCAGCCCGATCCAA
TTGCAGCTGATATTTTGAGGAAAGAGCCTGAGCAAGAACTTTGTACGGAGACCACGGCAAAACTCT

>trans_s_7613 AJ311624|Pisum sativum mRNA for Germin-like protein (glp3 gene)

ACGGTCCACAAAGGTGACATTATGGTATTCCCTCAAGGACTGCTGCACTTTCAAATAAACTCTGGCAAAAACA
CTGCTCTTGGGTTTGAACAAATCAGAGATTACCATTCGCGAGATTAGAGATACGATCGTCCTCCATGCT

>trans_s_7614 XM_002865785|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein 93-V (CLPC),
mRNA

GAGTGTCTCTGCAGTGCATTGGAGCCACGACATTGGATGAATACAGGAAGCACATTGAGAAAGACCCAGCCT
TAGAAAGGAGATTTAGCCAGTCAAAGTGCCGGAGCCCTCTGTGGATAGGGTGTATGTGCCCCGCGCCT

>trans_s_7615 GU246729|Dipsacus asperoides isolate LiChuan 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

AGGCGTAGTGCTTTCTTTATTGGGCTTTATAGTAATCCTTCAGTTTCTTCTTGGCATACCCCGCTCGACTGTGAA
TG TAGTGAGCAACGGGCAGAGCCCGCGTCGACCTTTTATCTAATAAATGCATCCCTCCAGAAGTCG

>trans_s_7616 NM_180897|Arabidopsis thaliana ADF4 (ACTIN DEPOLYMERIZING FACTOR 4); actin
binding (ADF4) mRNA, complete cds

ACCTGCCACTCTTCCTCTTCTTTCTCCCTAGATCTTCTGATTCACTTCCCCTTCTCAAGTTTCAGCCATGGCTAAC
GCGGCATCGGGTATGGCTGTTCATGATGACTGTAAGCTTAATAAGAACCTCGACTTCTGGTTCTCT

>trans_s_7617 EF159942|Citrus lanatus phytoene desaturase (Pds) mRNA, partial cds

TTTGGAGAACTTGGAATCAATGACCGATTACAGTGGAAGGAACATTCAATGATATTTGCTATGCCAAACAAGC
CGGGGGAGTTCAGCCGATTTGATTTCCCTGAAAAAATTCTCTGCACCCACAAATGGGATATGGCGATAAG

>trans_s_7618 AB498930|Glycine max GmCRY1b2 mRNA for cryptochrome1, complete cds

GGATCATCGAGTGAAGGAGGTTTTATCTGCCCAAGGGATACGTGTGAGGTCTTACAATGCAGATTTACTGTAC
GAACCTTGGGATGTAAAGGATGCCAATGGCAACCCGTTTACTACCTTTGCTGGTTTCTGGGAGAGATGT

>trans_s_7619 FJ529181|Brassica napus elongation factor 1 alpha (EF1alpha.2) mRNA, complete
cds

CTTGTTCTCTAGCAAGTTCATACGGACCCACACCAGATAAGCTTAAGGCTGAACGTGAGCGTGGTATCACAAT
TGATATTGCTTTGTGGAAATTCGAAACCACCAAGTACTACTGCACTGTGCGTGATGTCTTCAAATGTCA

>trans_s_7620 Novel Gene

GGAGCGCAATTGCTAGAGCACGGGAGAATGAATAGTAATGATTTTCAGCAAGAGCAGCCGGACGGACTACTA
TAGTGAGTCTAGTACTACGTCAGTCGAGTTGAGTCAGGTCCATACCATATCACTAAGGGAAGAGCGAGCC

>trans_s_7621 EU939303|Prunus persica CONSTANS-like protein mRNA, complete cds

TGATCATAGAATAATGCTGATGTCGACATCGGAGAAGTAACGGTCGTCGAGGAAGTTGATTGCAGCGCCAGG
TTTAACAGCGAGTGAGTTGTCAGAGTTGGATGTGTCGTAGAAAGGCGTAACTGGAACCTGTTTCATGACGT

>trans_s_7622 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

TTCCTGTTTTGTTTCGCACAACCTTTTTAAAGCACATCTATAAGTCATATGCGTGATACATAGTTCATAATGCAGA
ACTCATTTAGTTCATCCTATTAGCTTGTGGCTCATCCAAAATAAGCGCTCCGTGGGCCAATATGGGG

>trans_s_7623 AJ303457|Arabidopsis thaliana partial mRNA for ribonucleoprotein 1 (rnp1 gene)

AATTCTTATGATAATCGTATGGATTCCAATAGGTACATGCAATCACAGGGCTCTAGTGAGGTTTCCACCTTA
TGTTTCTCTGGATACAGTAATCCTGCGTATGGTTATGGTTCATCGAACAATGGTATGGGATATGGTG

>trans_s_7624 AF170087|Cucurbita pepo silverleaf whitefly-induced protein 3 (SLW3) mRNA,
complete cds

CATGCGATTTGGTATAACCTACATCGATTTCAAACACAAAACCTTGGAACGAATCCCAAAACATTTCAGCAAGGT
GGTTCAACCATTTCTACATACTTGAAGATGGTTCACAACCAACCCCTCAAAGACCAGGTTGGGTTGG

>trans_s_7625 AY125528|Arabidopsis thaliana AT3g08530/T8G24_1 mRNA, complete cds

CCAGAGTTATGGACTACATTAACAGGCTAGATAATTTTGATGGACCTGCAGTCGGGGAAGTGGCTGTGGAGG
CACAGCTGTATGAAGAGGCATTTGCCATTTTCAAGAAGTTCAACTTGAATGTTTCAGGCTGTCAATGTCCT

>trans_s_7626 XM_002877932|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl
compounds, mRNA

CCTTATGCCCTGGGCGACACACACATATGTTATGCCGCCCTGTTCCAGCATTCCTTATTCTTCCAATGTTAAT
GTTTCAGGAGTGCATTATGTTTATATGGATTCTTTTCGTTGCACTCCTGTTAGATGAAGTCGTTTCG

>trans_s_7627 NM_001054600|Oryza sativa Japonica Group Os02g0739000 (Os02g0739000)
mRNA, complete cds

GGGGTTTAAGTACTTTCATTCCACTCAAATAGCGAGACCGTCCTTTACCTCTTTGATCCACAGATGAATATGGA
TATAACAAGTCCTTCGGACGGGTTCAAAGAATATTGAATGGAATATTAGCTTTCTTTTACAATGT

>trans_s_7628 NM_001125575|Arabidopsis thaliana arginosuccinate synthase family (AT4G24830)
mRNA, complete cds

CAAAGAAAGACATGTTTCATGCTATCCGTTGATCCCGAGGATGCACCGAACCAACCCGAATACGTTGAGATTGA
AGTTGTCTCAGGACTTCCTGTAGCTGTCAATGGGAAAAAGCTGTCACCAGCCTCCCTTCTCGACAAAC

>trans_s_7629 XM_001692113|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTATCTTTACAACCGCCAGTGACTGAAGTGCCTGAGACCAAAGAAAACACAGCCCCAATAACGAGGATCAGA
ATTCACAGACCATTAGCTTGGGAGGAATACATAGTCAATCCGGTCGCACTCCCATGAGCTGCTGTCC

>trans_s_7630 AY584532|Lycopersicon esculentum DWARF1/DIMINUTO (DWF1) mRNA, complete
cds

CTTTCTCAATAACCCTTCCTCTGGCCTCTTCTTTGGAAGCATATCTACCTGACATGACCACAGCTTCAGAAGGGG
TATAATCATAGTCTCAACAAAGTCAGGAACCTTTCTGGGTTATCTTGATCTCCATCTCTAGGTG

>trans_s_7631 GQ998026|Bulnesia arborea voucher FLAS:M.J. Moore 334 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

CTTCGTACAGTGCCACATAAGTTATTGGGTGTTCTTTAATGGTTTCCGTACCGGCGGGATTATTAAGTGTACC
ACGTTTGCTCTTACAGTATAAATCCAAAATCCATTTTCGTCGTCCAGTAGCGACAACCGTCTTTTTG

>trans_s_7632 XM_002311679|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

GACGTATACAATCCCAAGAGGCATAGTTGGTGCGAGATGAAAAATGGTTGTGTCATGGTCACTGCTCATGCTG
TGGTTGGTAAGAACTCTTCTGTATGGAATGGAAGAACCAACGGAAGCTTTCGTACAAGTGCTTAAGA

>trans_s_7633 XM_002887814|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADP-malic enzyme 4 (ATNADP-
ME4), mRNA

GGTGGGGCACCCGTTTAGTAATAGATACCCCGTTACATCAAAGTCAGAACGGGCGCATAGGAGTCAGCAGT
ACATTCAGATTGGGAAGTAGGATTTGAAAGAGAGAGGATGATAGGTTGCTCATTGATTGAAGCCATAGT

>trans_s_7634 Novel Gene

GATGTGACATTCTTTCATAAACGGATAACATACCATAACCAAAGCTAGTTGACCGCGAATGTTTCATAGCTTCAGC
CAGCTGTTCCGAGCAGGGGCCACTTCATAAACTTCTGGGGGTATATATATATGTGTACACGCAGGTC

>trans_s_7635 X15936|Pea PSU2 gene for U2 snRNA

CACCAATCCATCCCGAACTTGGAAATATCTGATCATGTTTAACTCGGCTCACATGATATTAATTAATTTTTCTA
GGGGGAGGGCCCAAAAAAATTTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATT

>trans_s_7636 Novel Gene

GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGATTGTGAATCCACCATGCGCGGGTTCAAGGAAAGCGACC
TCCACTACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTCACTTACCTAGTCCATGCTATCC

>trans_s_7637 GQ997208|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 23S ribosomal RNA (rrn23)
gene, complete sequence; chloroplast

CACCATGCACTCCACGTGTGTCGTGTCCACCTACAAGGACCCAATCAAGACCAAATTCAATATGGGCAACAGG
GAAAAGTCACTGCGACCCCCTTTGTGAGGAGGCACCCCTTCTCCGAAGTTACGGGGCTATTTTGCCG

>trans_s_7638 X15199|Soybean 5S rDNA gene for 5S rRNA

ACTGCGGAGTTCTGATGGGATCCGGTGCAAATGTGCTGGTATGATCGCACTTAGGGGTGCAACACGAGGACT
TCCCAAGTGGTCACCCAACCTTAGTACTACTCTCGCCAAGCACGCTTAACTGCGGAGTTCTGATGGGAT

>trans_s_7639 AL161495|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 7

AAAGGCTCTTGCTGAGCAGGAGGCTCTCATGGAGAAGGTAGTCCAGGAATCAAAGATACTACAACATGAAGC
AAATGAGAATGCCAAGTTGCGGGAGTTCCTAATCGAACGTGGGCACGGCTGGTCACACAACGTCCAAC

>trans_s_7640 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

GTCGGACCACTAATCTAGTAACCTCAATAGCATAATATTAGTCTAGGGTTTATCTTTTAAAGCATAGGTATTCTT
TCAGGGGCAGTATGGGCTAATGAGACATGGGGATCGTATTGGAATTGGGACCCAAAAACCGTCTGC

>trans_s_7641 EF135616|Rhizanthus zippelii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACACGTTTGGCTGATCGAAGCCCCCACTTTTTTTTCGGGCTGTCTGCCGCGCGACAGCGCAACTTCGAAAGG
GAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCTAAAATTCTCAACC

>trans_s_7642 EF422895|Hanguana malayana photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II
CP43 protein (psbC) genes, partial cds; plastid

TCAGATACCGTCCTAGTCTCAACCAAAAATCTCCTTTTGGCGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTT
GGAAGATATAGTTGGGGGACATGTATGGTTAGGTTCCATTTGTATACTTGGTGAATTTGGCATATCT

>trans_s_7643 FN552254|Citrus clementina mRNA for aconitate hydratase 1 (aco1 gene)

CGGACTGGGAATGGCTCCTTTGGCATGGCGACTGAAAACCCATTCAATAGCATCTTGAAGACCTTGAGAATC
CTGAAGGGGGAGTGTTTCGAAAGTACTATAGCTTGCCCGCTTTGAACGATCCTAGAATCGAAAGGAGA

>trans_s_7644 FJ824852|Nicotiana benthamiana QM mRNA, complete cds

GCTACGAGCTTTCTAGATAGGTAGTCGGACACCCCGACAAAATCGTGACTTAGGGTATGGCTTGTTTTAATCT
GCCGGTAACACCTAGCAGGTCTTCTCCCCATTATGAGTGTAATGAAACCACCAAGGGGGCGACGGGG

>trans_s_7645 EF207449|Liquidambar styraciflua inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGGTATTCTCTAAAGAAATTAATGATACTTCTTTATGTTTTGATTGTTCTGCCGGATTGGTCGTTCAAGACCTT
TGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAATGGGATCTATGGACTCGTTGAGAATGATTCTGATCTC

>trans_s_7646 AY335818|Gossypium hirsutum beta-D-glucosidase mRNA, complete cds

AAAACAAAAAGTTGCGGCCTGTGCTAAGCACTTTGTAGGAGATGGTGGCACAACCAGGGGTATCGATGAAAA
TAACACTGTGATTGACTATAATGGATTGCTTAAGATTCACATGCCTGCATATTATATAAGCTATGTATT

>trans_s_7647 CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

GAAGTCGAAATCCGAGCCTCTCACACATTGTTGACACCTATTAGCGACCAGCTAAAATCCCCGTTCTTATAGT
CCGCGCGCGACCTATACCCGGCCAGCCCCGTTTCTAACTTAAAAATAAGACGGGAAAATATTTAAT

>trans_s_7648 EF128058|Medicago truncatula class II KNOX homeobox transcription factor
(KNOX3) mRNA, complete cds

GGATAAGCTTCATCGATTGAGCAGTCCTTACAAAGTTTAACAGGAGTTTCACCTGGCGAAGGTACAGGAGCA
ACAATGTCCGACGACGACGAGGACCAAGTTGACAGTGATGCAAACTGTTTGATGGAAGTCTTTGGAC

>trans_s_7649 AY012386|Burretiokentia hapala 18S small subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

AGAAAAAATATTATCTAGACGGGTAAATAGATTGACCTTAAACAGCAACGCTTAATGCAGCGGTAGCTTTTCG
CAGTTGTTCTGCTTTTCATAAATCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCCGACTGT

>trans_s_7650 EF422895|Hanguana malayana photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II
CP43 protein (psbC) genes, partial cds; plastid

TCAGATACCGTCCTAGTCTCAACCAAAAATCTCCTTTTGGCGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTT
GGAAGATATAGTTGGGGGACATGTATGGTTAGGTTCCCGGGTGCGCAGGTTGTTCCGGGTTACGCGAG

>trans_s_7651 Z71395|N.plumbaginifolia mRNA for calreticulin

AACCATGTTCTGTACTGGGTGGGGTGCCTGATTTACCTGCCACAACCTCAATACCAACATATTTCAATTTGG
GGAAAACATAGAGCTCGGTTTAGAAAAAACCTGGGTTGTCAATCAATGGTGCCTTCCATTTTCCCT

>trans_s_7652 X80170|O.berteriana rpl2 gene

CGATCCACCCCGAGGGCTTTTTGGCATTATGCGGGACTCCTTAAGGATGGAGCGGACTTCCCTGTACTCAA
GTGAATTGTCTAAGTGCTCTCCCTCTTGGCTTTGTCTCTTGTCTGAGATCGTAATCATTCTCTCCG

>trans_s_7653 NM_001187691|Oryza sativa Japonica Group Os06g0170200 (Os06g0170200)
mRNA, complete cds

AATTGTCTAAAGGGATCATCAATGGAAGTGGCACCAAGGTGACCGAAGCACCTGCAACTACATGCAAGCCAG
ATATAAAGGAGAGGCTTAATGGTGTATATGATAGTGTCTTGTGTTGATAGTGTGTCTGCTATGGTAA

>trans_s_7654 DQ335595|Coffea arabica R111 mRNA, complete cds

AACGCCATAAATTAGTTCTGGAAGTTTGTTCAGCGATTTCGTAAAGTTCTAATGCCGAAATTCCTCCAATGGCCA
GATGAATCAAAATTAACCAAAATCAAACAAGAATTCGAATCGATTTCAGGAATTTTGGGACAAACA

>trans_s_7655 AY093256|Arabidopsis thaliana DEAD-Box RNA helicase-like protein (At3g22320)
mRNA, complete cds

ACCTCTGATAACAGAACATGGGAAAGGAGGGAAGTGTATTGTTTTCACTCAAATAACGTGATGCTGATAG
ATTAGCCTATGCAATGGGAAGGAACCTTAGATGTGAAGCTTACATGGAGATATTTACAGAGTCAGAG

>trans_s_7656 GQ998511|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 acetyl-CoA carboxylase
carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

GGCCTCCAGCTTGTATGCGAGAAAAATTTAACTACAACAGAACGTTCTAATGATCTAGATCTAACTAAAAAATA
CAGGCATTGTGGGTTCAATGCGAAAATTGTTATGGATTAAATTACGGAGGGGGCCCCCGGTTTCGTT

>trans_s_7657 EF530205|Betula pendula CBF/DREB1 transcription factor 2 (CBF2) mRNA, complete
cds

AGAAGGGGTGCCTCCTCACAAGGAGACAAGGCATCCAGTATACAGAGGAGTCAGGAGGAGAACTCCGGCA
AGTGGGTCTGTGAAGTGAGAGAGCCCAGCGGAGGACTGGAAGCCCAATCCAACGTCCCCTTGGTCCAAAG

>trans_s_7658 NM_119600|Arabidopsis thaliana HDR (4-HYDROXY-3-METHYLBUT-2-ENYL
DIPHOSPHATE REDUCTASE); 4-hydroxy-3-methylbut-2-en-1-yl diphosphate reductase/ 4-hydroxy-3-
m> (HDR) mRNA, complete cds

CCAAGGCGTTCCGGAGGAACTTGACAAAGAGTGACAACTACAACCGCAAAGGCTTTGGTTACAAGGACGAGA
CTCTGGCGCTCATGAATCGCGAGTATACAAGTGATATCATAAAGACTCTCAAAGACCCGTTTCGGGTCTG

>trans_s_7659 AB070753|Vigna angularis AdGt-10 mRNA for glucosyltransferase-10, complete cds

CGATGAAGTGATCATCTGTTGCTGTGAATCTGGCGAAATGGATCTGTAGGTGTAGTTTTCGGCTGTATCCTTT
GTCTGTGGTGCCGTTTCGGTCACGGGGCTTTGTTTCTTTGAGAACGATGTCTAGTCGGTGAATCCTC

>trans_s_7660 NM_001067082|Oryza sativa Japonica Group Os07g0662900 (Os07g0662900)
mRNA, complete cds

GAAACGCTTGAGATGGGAAAGAAGGGGTTGTTACTGAGTCCTGTTACCAAGGAGATCAGCTTATATGGTG
TGGAAGTATTGCGGTGTCTAATGGATTTGAATGTGAGTACAATTATTATGTTGTTGATGACAATAGAAA

>trans_s_7661 AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

GATGGAGACATCCAAGTGTTTCGAAAACATAGACCATTGTTTGAAATGCCAAGTGGATACTTCTACGCAGTGA
TGGATTGCTTCTGTGAGAAGACATGGAGTAACTCTCCACAATACAATACCCACATACACCACACCTGG

>trans_s_7662 AY118087|Festuca iberica internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

CAAAGGCTATAGGTGTCCACGAGCGACGATCGGAGGAAGGGAAATCAACCGAGACCCCAATCATCGCGC
GAGCGAGAGCGGATTGGGGGTTTTTCAGAAAAGGGGAAAGCGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGA

>trans_s_7663 GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

AAACCGATTATGGAAGCTAAAACGATCGCCAACCCAAGATTGACTCACCAGAACTGCAACAGTTTCTCGTCG
AACAGATGGCCTCTTCATTAACGAAAGATCCCAATTTACGGCGGCCGAACCGGCAATAGCCCTAAAG

>trans_s_7664 EU583457|Betula pendula histidine kinase 3 (HK3) mRNA, partial cds

ACCTATGGTGAAGCGGTTGTCTGGAACATCGCCTGTTGACGACTCAATCTCAAGATCAATCGATTCAATAACCT
CCTTGACGAGATTAACAGTGACAAATATGTGTCCTTTTCTGTGAAGTTGATCGAGTTTCCACAAG

>trans_s_7665 NM_001058179|Oryza sativa Japonica Group Os03g0807700 (Os03g0807700)
mRNA, complete cds

GGAGAAGGGGTGCCTCCTCCAAGCTGGGAAATCAATGGCTTGGTTGAGTACATCTCAGGTGGGCCTCAACCC
GGAGGGATGTTCTTCCCTGTAGCTCACGGTGTCCACGCTGTAAGACTCGGCAATGAAGCTTCGATCTCT

>trans_s_7666 XM_002877355|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lectin protein kinase family protein,
mRNA

AGCGCCGAGGTGGACGTTGTCCAGAAACCAACGTGGGAGTTCGATGACTGGGAATTTGCTAATTTGAAAAAC
GATATGGGCATGGATTCTGTTGGACTTAAACCTAGGATTGTATTTGGGGCGGTTCCAGTTTCGACGAA

>trans_s_7667 CP000594|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 14, complete sequence

CCTTTCAAGAACAAAGGCTACAGCCACCTCTCCTGCCTTAGTCTAGCGTCTTCGAACCTCTCACTCGTCAACGCT
TGAGAGCATCTTTGAACCTGGTCTCGTGGGGCCTGCCTACCTACCTAGCCTGGCCTTGACATTG

>trans_s_7668 M84969|Silene cucubalus glutathione-S-transferase gene, complete cds

AATGGATTGCACCTCAACCAACTCTTCTGAAATAGAAGCCATTTCTTCTCCTATTTTGAATAATGTTGACATCCA
ATGCCATCCTATTATCGAACATGATCCAGGTACTGCCTAATTTATGAATATTAACCTGAGCGGCT

>trans_s_7669 NM_115049|Arabidopsis thaliana SULTR3;1 (SULFATE TRANSPORTER 3;1);
secondary active sulfate transmembrane transporter/ sulfate transmembrane transporter/ tra>
(SULTR3;1) mRNA, complete cds

GAAAGATTTGCCTTTGCTTTCCCCACCAGCTAAAACCAATGAAGATGTGGAGTTGCCCTCTGGTTGTGGAGTG
TCAGGTGAACAGAGTCCAGACAGTACGGGTCCCTCGTTGCTACCGCCGCCGAGTCGCTCACATTGT

>trans_s_7670 FJ805333|Morina longifolia DIV1Ab protein (DIV1Ab) gene, partial cds

AGAGTTTAACGGGTAAATCCCTGCAGGTGTCTCACCTGGTAGATAAGGCTGCAGAATTGGGGAACACACATTA
GATAGCCATTCAAAAATCCACAGCAAGATTGAAAGAGAACATGCGATTTTGCAGGAAGGTTTCGATTA

>trans_s_7671 EF464670|Gossypium hirsutum protein phosphatase mRNA, partial cds

CTTCTTTAGCAAGTTCGGGAACATTGTGACATCAAAGATAGGGAAGGGCGGCTGTCCGTTCACTTTCCGGAA
ATGGCAGAAATCTCTCCAGTCTCGCGATCTGGAGGCGCTCATCGAAGCGTCAGGTTCTCTGCGAG

>trans_s_7672 GQ998030|Bulnesia arborea voucher FLAS:M.J. Moore 334 photosystem I P700
apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

CCAGGTTGGATTGGCTTTGGAGCAGCCTTGTGATAATGAAACCAACCAGCAAAAAGCATTAAAGGCTGCAAAG
ACTAATGCACCAATTGCGGTACAATAGAGTTGTAATTCATTAGTTATTCCAGATGCTCGCCACATCTG

>trans_s_7673 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

TCCGTCTTGCCGCGGGTACACTGCATCTTCACAGCGAGTTCAATTTCACTGAGTCTCGGGTGGAGACAGCCTG
GCCATCATTACGCCATTTCGTGCAGGTCGGAACCTACCCGACAAGGAATTCGCTACCTTAGGACCGT

>trans_s_7674 HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)
mRNA, complete cds

CCTGTGGTTCAGATTTGACCACTGCCCTTCACTGTGCTACTGCTGGTGGCTCTTGTCTTCCCTTGAGACCATCA
AGCTCTTGCTCGACGGATCTGCTGATGTGCTGTCGTCGACGCCTACGGAGAGGAACCTGTCTCT

>trans_s_7675 AJ010950|Capsicum annuum eg2 gene

AATAGCCCCCTTTAGTGCAGCACATACATAGTATTACCCGCTGATTTTTCATTTTACTTTTCCAGCTATTCATCA
CAAAGGAGATTACCCGGACATCTCAACTGTCGTCGTGAATTTGCATCAGTTTCTGTACTCTACT

>trans_s_7676 NM_001063452|Oryza sativa Japonica Group Os06g0167000 (Os06g0167000)
mRNA, complete cds

AGCCACGAAGAGGATCAGCTTATTCCTAACCTTTACCGATATATACAGCCTTGGGAAAGTGAGTTCATAGATT
CACAGCGGGTATGGGCTGAATATGCTCTGAAGAGGCAAGAAGCTGTCCGAGTTAATACAATCGTTCA

>trans_s_7677 AF206319|Musa acuminata pectate lyase 1 (PL1) mRNA, complete cds

TGGGTATTTTCATGTGGTGAACAATGACTATACACATTGGGAAATGTACGCCATTGGAGGAAGTGCTGCTCCA
ACCATCAACAGTCAAGGGAACAGATTTGTTGCTCCAAATGACAGATTCAGCAGGAGAACAGTGGGGC

>trans_s_7678 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

AACACCAGAATATCTGTGTCCCGTGCTAGGAAGCATTATTCTTCTTTTCATTCCAAATTCAAGAATACGACTGAT
ACGATTGATTGGTCTATGTGCCTCTCTTATTACTTTTTTGTGCAGAGAACAACCTTTTTGAAACTC

>trans_s_7679 DQ641441|Anomobryum humillimum large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

CTAGTCCGACTTTGTGAAATGACTTGAGAGGTGTAGAGCGGACAAAGAAAAACAGGGAATGGATTCAATAA
GTATCCATATGACTTGTAATAGAACTTATGTTTGATATAAATATTAGTAGTGTAGAGAGTATATCTTA

>trans_s_7680 GQ998490|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 RNA polymerase
beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TGACGGTATCGAGCTGGAACAATCTGTTCTTCTGAATACCTGGATTCAGTGCCAAAGAATTCCTGTGCTAC
CATATAGTATTCATCTCGACTTGGTGATAAATAAAGCATCCGCACTTCCAAGTTCGGGATGGATT

>trans_s_7681 X14411|Tomato U3 small nuclear RNA gene

TTGAGTTCTAAGGAGACAAGAACCTAAGTCCGGTGGATGAGTTTGTGCCATGTGACTAGAGCGTGAATAATG
GCTCATAGACCCATGGTCTAGTAGTGGCTGTAGAGGATCGTTCTCGACTTCATACCAGAACAACCCTA

>trans_s_7682 AB551218|Nicotiana tabacum TARF mRNA for TMV-associated RING finger protein, complete cds

CCTGCCAAAGTTCAGCAATGGCTCATCAGCAGGAATTCGTTTTAAACCCGAAGAGTATGACGAGTTAGCAACT
GATGTATTATGTGTTTCACCCCTGAACCTACTGTGTTGCTCACTACCATATTTGTCTTTTACAGTCC

>trans_s_7683 EF694005|Castanea sativa pseudo-response regulator 5 (PRR5) mRNA, complete cds

GGAGCGTGCTGCAGGACAGGCTATCCTCAAACATTCTAGTGCTTCAGCTTTTACAAGATACACCTTCAGGCCG
TTGCAATCACTTCAAGCAAAATCAAGCAGCATCTGTGATGAGCAAAAGGAAATTGGAAGCAACCCTG

>trans_s_7684 AF479231|Dipsacus sativus 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CCCGCCTGACCTGGGGTCGCGTCGAGAGCGTCGTCCTTTAAGGGGCGGCGTTTGAAGGGTCGTGATCAGAG
CACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTAAACA

>trans_s_7685 AF134324|Populus deltoides Qa-binding protein PsbD (psbD) and chlorophyll a-
binding protein PsbC (psbC) genes, chloroplast genes encoding chloroplast proteins, complete cds

AAAAGAAGGGACAGTAGAAATCATACAGAAATGCGCTCACTCGAAGGCCCTGAAAATGCAATGAGGTGTTCG
AAAATGGTTGAAGTTAGTTGAATAGGAGGATCACTATGACTATAGCCGATTGCTATGGAAAAAGCTG

>trans_s_7686 AF408242|Klebsormidium nitens 18S small subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

GGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTACCCAATCCGGGTGTAAGGACGCCTGAAATCTCG
TCTTTTCTCTCAGCTGCCATGGACAATGAAGATTCTCACTTTGTGGAGGATGCTTCTCCAAGAGGTCC

>trans_s_7687 AF314925|Phaseolus vulgaris NADH glutamate synthase precursor, mRNA, complete
cds; nuclear gene for chloroplast product

TGGGAAATGATACTCCCTTAGCTGTCATGTCCAACAGAGAAAAGCTCACCTTTGAGTACTTCAAGCAAATGTTT
GCACAGGTTACAAATCCTCCCATTGATCCCATCAGAGAAAAGATTGTGACCTCCATGCAATGTATG

>trans_s_7688 XM_002879972|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 50S ribosomal protein L3, mRNA

GGGGCGTGTTTACAAGGGAAAGAAGATGCCTGGAAGGATGGGAGGAACCAAGAGAAAGATCAGAAAATC
AAGATTGTAAAGATCGATGAAGACCTTAATGTTGTGATGATCAAAGGAGCCGTCCCAGGTAAACCAGGAA

>trans_s_7689 EU431331|Malus hupehensis arginine decarboxylase mRNA, complete cds

AACTTTTCTTTTCTAGTACAGAGAGAGGGGATGGGAACACCGAATCCACCCTTTGTAAATTCGGGATCTTGTT
CTCTCTTGTTATGTTACTGTGTAGAATTTGAGTTTTCTTTCTTCAATCAGACTGAAGGTTCC

>trans_s_7690 XM_002866197|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 23,
mRNA

CCCTACGTTAGATCTGGCACCGTTTGTCAAGTGGTCTTATGCTGATGGAGACTTGAAGTACACTCTTTATGGGG
TTTTGGTCCATCATGGTGGTAGCACCCGTAGCGGTCACTATATAATCATGACAGCTTGTAGGTGTT

>trans_s_7691 AB086374|Sesbania rostrata srha5 mRNA for plasma membrane H⁺-ATPase, complete cds

GAGAAGGGTAAGGAGTGAAAAGAAGAAATGGGAGAAAAACCAGAAGTGCTGGAGGCTGTGTTGAAGGAAG
CTGTGGATTTGGAAAATATACCCATTGATGAGGTTTTTGAATCTGAGATGTAGCAAAGAGGGTCTTAC

>trans_s_7692 U66376|Triticum aestivum 1,4-alpha-D-glucan 6-alpha-D-(1,4-alpha-D-glucanotransferase mRNA, complete cds

ACTCAACTAGCAAGGTGGCACGAAAAACCCAAGGTGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCCGTGTAGGGCTTTA
CTGAGATGATTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCAGGCATCTCATCATCCAACCC

>trans_s_7693 S83742|U6 small nuclear RNA {coding region} [potatoes, Genomic, 102 nt]

CAGTACATGGGCTACCTACTCAGTCCAAACGCGAAAAATATTTTCTGATTAGCAACCATGGCCCCTGCGCAAGG
ATGACACGCACAAATCGAGAAATGGTCCAAATTTAGCCGGTGGAGCACAGGAGGCAGGTTGTGCTA

>trans_s_7694 X53932|Tobacco mRNA for 33 kDa chloroplast ribonucleoprotein

GCAGGTTATATACGATAAAGTTACGGATAGGAGTAGAGGATTTGCATTTGTGACAATGGCAACTTTGGAGGA
AGCTAAAGAAGCAATTCGGATGTTTGATGGCTCTCAGGCTAATAACTAGGTTACCTTTGTCCGGGAA

>trans_s_7695 AY295341|Cucumis sativus poly(A)-binding protein C-terminal interacting protein 6 mRNA, complete cds

TCAAGGACCTTCAAAAAACCAACCAACCCAGTGGCTATGGATGTTGTTACTCAAAGAACTCCTCTTCTCCG
TTTCCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTTGTTCTGTTCCCATGGCGTATAGAGTAACTAGACTAAAGA

>trans_s_7696 AY928808|Artemisia desertorum ring zinc finger protein (ZFP1) mRNA, complete cds

AATTCGTGTTTCTAGAGCTCCATTTGCCAAAAGGATCTGAATGCACTGTGGCTGTTTTGACGTGCTGCTATA
TGCAACGGAGTGGCACCTCCTCATCTCGAATGTTACATATCTAATAAATCCCCAAGTGGCTGCA

>trans_s_7697 XM_002879225|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata BTB/POZ domain-containing protein, mRNA

TTCAGTATTGTTGTAATAGTAATTTTCTTGAAAGAATGGGATTAACCCACTGGTGCTCTCCATATGATGTACC
GGCAAAGAATAGAACTCCATTGCTGTCCCATCACAAATGTACTGCAGCTCCTTATAACTAGACCG

>trans_s_7698 XM_002868350|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GDSL-motif lipase/hydrolase family protein, mRNA

TTAGGGCATAAGTTTGAGGCTGGAGTGCACAATCCTATCCCATTTGAATGGCCCTTGCCACAACATGCCACCTT
TGATGTTATAAACCCATAGGCTTGAGGATTAGAGACGAAATCCATATGCATCATTTGAGTATTAAC

>trans_s_7699 XM_002319760|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS56), mRNA

AGGCCTTGCTGCAAGTGCCTGAAGAAGAGTTAACCACTGCGTCCCCTGAGTAATCTGGAAGTCTATGATGTGG
ATGCGGTCTTCGTTTCTACAGGCTTCGGCAATCGCCCCGTCGCTGCCATGTAACCGAATTCAAGT

>trans_s_7700 NM_101951|Arabidopsis thaliana SPL14 (squamosa promoter binding protein-like 14); DNA binding / transcription activator/ transcription factor (SPL14) mRNA, complete cds

AAAGTTCTCTGCAGCACCAAAACAAATTAATGGTAATCCGTCTTCTCCTTCGACCATGGACTTGCTTACTGTA
CTTTCAGCTACTTTAGCCGCATCAGCTCCGGATGCTCTTGCAATGCTATGTGTCGGAGATGACACT

>trans_s_7701 NM_001057174|Oryza sativa Japonica Group Os03g0607500 (Os03g0607500)
mRNA, partial cds

CAGCCTCTCTTAACCTTAACTCGAGACTATCTGGCTCGTCTACTTTTCTGGTGCATGCTGTTGGGGCATTATCTA
AGAGGCCTGGAATACAGAATGGAGTTGATGAATCTTCTTCCCTTTCAAGCAATGTTGAAAATGC

>trans_s_7702 NM_001124071|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT1G63770)
mRNA, complete cds

GTGATTTAGAGGGTGGAAAACATTATGCCCTTTGGGAGGATCCCTTTAAGAAACCCTGCTACTTGTTTGCTTTA
GTAGCTGGCAAGTTGGTAAGCAGAGATGATATTTTATTACTCGCCTAAACGAAGGGACTCTTCCA

>trans_s_7703 EU423905|Triticum aestivum isolate LRCHS1-cTR Xa21-like protein mRNA, partial
cds

TCTGCAAAGCTTTGGATTTCGATTTAGTTGTACAATGAACGATCAGAATTCGATGATAAATCAAGCTCAAATGAT
TAGTATGAACCATCCGCAGATGGCAAACCAGCCTCCTCATGTGATCAACCAACAACAGTGTGCGCC

>trans_s_7704 AC158180|Selaginella moellendorffii chromosome JGIASXY-5A14, complete
sequence

CGACCGGACACTGGTTCTGACCTATCCATATTTGTTGGTGACTTGGCTGCCGATGTGACTGACGCTATGCTGCA
AGAAACTTTTTCTAGTAGATACACATCTGTATTTCTCGTTTCCACCAATAACTAAGTACAAACTT

>trans_s_7705 XM_002329191|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP714A3), mRNA

AGTTTAGATTCTCATTGTCTCCAGAGTATCACCATTGCCCTTCATATAGAATGGTTGTGGAGCCTGCAAATGGT
GTGAAGATTGTTTCCAAAGGCTTTGAATTAGGGTCTAAGAACATTGTAAATGAAACAAAAACGAA

>trans_s_7706 FJ901240|Vitis vinifera CBL-interacting protein kinase 12 (CIPK12) mRNA, complete
cds

ATGGAATAAGTCCCGTTTTCTGACGTTGAAACCCATCGGTTTTGCAGTTTCTCAATCTTCGACATGATCTCGTT
TGCAGGGCTTTGCGAAGTAAAACGAGTTTCTCTCTTTGCAACAGTCTAAAAAAAACCTTTATCA

>trans_s_7707 AB052228|Cucumis melo var. reticulatus Cm-ETR1 mRNA for ethylene receptor,
complete cds

TTTACAGAGATATACTGATACAAGTACAACAACTCATCTGCAGGCCATTGTGGCTCAATGCAATAACAGTTCTC
CATGGCAACCACACCTCTCTCGCTACGATTACCTGTTTATCTGGGTCTTCTGCTCATTGAGA

>trans_s_7708 U64925|Nicotiana tabacum geranylgeranylated protein NTGP4 mRNA, partial cds

AGCAAGACTGAAAGCAGAAGAGAATGCACAACATGCTCAGAGAAAATCTAATGATGAAATCCGTCAACTCAG
GGAGCATCTACAGAAAGCACAGGAAGAGCTTCGCAAGCGTGGTGAGTCATCTAATTGTGCCATAAGGG

>trans_s_7709 EU002495|*Datisca cannabina* RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds; chloroplast

TTTTGGTTGGGAATTCAATGATGCAGAAAATGCCAATTCAAATTAATGTATTGAAAACGATGTTACTGCATG
GATCGGAATTGAAAATCCCCCGTTTTCATCCATTAAATAAATAAAAAGTAAGGGAAAAGTCTGTTT

>trans_s_7710 AY762614|*Brassica napus* glycolate oxidase mRNA, complete cds

AGATGGAGATTACTAATGTCACCGAGTATGAGGCTATTGCAAAGGAGAAGTTGCCAAAGATGGTTTATGACT
ACTATGCATCTGGTGCAGAGGACCAGTGGACCCTGAAGGAGAATCTCCCGTACGGGGAACTTCGGGGT

>trans_s_7711 BT012254|*Arabidopsis thaliana* At1g31700 gene, complete cds

AAACATGAATATCTTTAAGTTCCGTCAACACCATATCATCAAGATCCACCGTCGTTTCAATCCCTTCAATTGGCC
TCAACCAAACATTACAGTTGATTCTTGTAACAAAAACAAAACCTTCACAATCCTTTTCGTCTCA

>trans_s_7712 X58229|*Tobacco* CAB7 gene for chlorophyll a/b binding protein

TCACTTCATTTCATACCCATTTCAACTTCTTTCTGAATCATTCCAATGGCTGCCTCTACAATGGCTCTTTCTTCTCC
ATCTCTGGCCGGCAAGGCCGTGAAGCTCTCCCCAATTTTTTCAGGGCCTGAAAGGTCAAGGA

>trans_s_7713 EF379384|*Actinidia chinensis* VTC2-like protein mRNA, complete cds

TCACATGGCAGCGGAGGCTGGAAATACGTAATTCAGGCTCGGGTACAACAGCTTGGGTGCATTTGCTACCATC
AATCACCTTCACTTTCAGGCATATTACTTGGGGGTCCCTTTCCCTATTGAGAAGGCACCAACGAAGA

>trans_s_7714 GQ998291|*Ficus* sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 photosystem I assembly protein ycf4 (ycf4) gene, complete cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCAGCAGGATTCCTTATGAAAGACATTCAG
TCCATCAGAATAGAAGTTAAAGAGGGTATTTATGCACGTCGTGTCCTTTATATGGAATAAAGCTTTT

>trans_s_7715 NR_022056|*Arabidopsis thaliana* (AT1G08115) ncRNA

CGTAGGACTCAGTGTCCACCCGTCTGGAATCTGCCACCCCTCCGGTATGTGCAATGGAGGTCACCAACCTAGG
CCATGGACCTTCTTGATCGCGGGAAGATCAGCCTGTTATCCCTAGAGTAACTTTTATCCGTTGAGCG

>trans_s_7716 NM_112567|*Arabidopsis thaliana* AAE7 (ACYL-ACTIVATING ENZYME 7); AMP binding / acetate-CoA ligase (AAE7) mRNA, complete cds

GGAACAAGTATATGCCTCCGGCAGGTCACAGCTAAGGCAGTTTATTCAGCCATAGCCAAGCATAAAGTAACAC
ATTTTTGTGCTGCTCCTGTGGTTCTTAATACTATTGTTAATGCCCTAAAGAAGATACTATCCTTC

>trans_s_7717 NM_179754|*Arabidopsis thaliana* plectin-related (AT2G26770) mRNA, complete cds

CTTACCCCTTACCCCTTACCCCTTCTCTTAATTCTTCTTTCAATTCGCCATTAACGAACACCTTTCATCCATATC
AGTTCCTAAACTCAAACTCAAAGAAATATTCAATCAATCAAAATACCTCCCGTCGCCTCCG

>trans_s_7718 FJ943650|*Populus tremula* x *Populus alba* carbamoyl-phosphate synthase (CPS) mRNA, partial cds

>trans s 7727 Novel Gene

GGGGGCATGATTCGGTCGAGAGCTACGACTCCAGATCTCATTCTATTCCCCGATCCTGACTAACTGCACCTA
TGAAAGAGAGACCAACTTCGAATTCTTCTAGCAACTTCTCCTGCACTTATTGAAGTGATCGTACT

>trans_s_7728 GQ998791|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 4.5S ribosomal
RNA (rrn4.5) gene, complete sequence; chloroplast

CTGACTTTGCTATAGAGCCGGAAGTGATATGGAGTGACAAGAAGCGCCGCTTCTCTATTACTAGAGTTCGTG
GCTCCACTATGAGAACAGAGGCTTGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACA

>trans_s_7729 DQ629387|*Leucolejeunea clypeata* 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACGTGATGGGGGATAGATCATTGCATACACCAACTCCTGTGCTCCTTAAGGATCATTGCGCGAGTCATCAGCT
CGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATAGGTACTGGTCCTA

>trans_s_7730 AY125528|*Arabidopsis thaliana* AT3g08530/T8G24_1 mRNA, complete cds

AAGCCATACATGATTGCAGTTCAGAGCAACAACGTGTCTGCTGTGAATGAGGCCTTGAATGGAATTTATGTTG
AAGAGGAAGACTATGATAGACTGCGTGAATCGATTGATTTGCACGACACGGGGTTCGACATATGGC

>trans_s_7731 FJ467934|*Carica papaya* transgenic cultivar SunUp tetA pseudogene, complete
sequence

TAAAAAAAACAATAATCCACATAAAAAGGGAATCTTTTGTTACAATAGAAGCAGAAGTGATGTGGATTATTCA
AGAATCGAAGTCGAGTTGCTTTATAAAAAGAAGATATCAATGAACTTCTATGAAATGGTTTCACG

>trans_s_7732 NM_001057104|*Oryza sativa Japonica Group* Os03g0586500 (Os03g0586500)
mRNA, complete cds

AATGTAGATGATGGATCTTGTCCGATTGATACAGATACTGAGGACTAATTTACCTTCTCTCTGTTCTCTCGCACC
TCATCTTTCATCGAATTCAAGTTGCATGAGGCACTGCAAAGGCATTTCTGCCCTATTAGAGGA

>trans_s_7733 AY527193|*Citrullus rehmii* voucher NAM1887_2 NADH dehydrogenase subunit F
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

GGCCAAGGCGTCAATTGCTTCTTGATTGAATTGAGTGAACGGGCTTCCTATGATTCCAACAAACAAAGTAAAT
AGGGATAACACAAACATCGGAAATAGCATAGTATTATCTGATTCATACGTTGCCGAGAGTCGTTG

>trans_s_7734 XM_002304284|*Populus trichocarpa* autoinhibited calcium ATPase, mRNA

AGAGCTTCCCGATTCCGCCGTTGGTATTTTGCTGCAATCGATATTTAACAACACTGGTGGAGAAATCGTCAAG
AACAAAGATGGTAAGAATGAGACGCTTGGGACACCCACCGAGTCCGCTCTTCTGGAGCCTAATTC

>trans_s_7735 NM_001072972|*Oryza sativa Japonica Group* Os12g0228800 (Os12g0228800)
mRNA, partial cds

TTATCAAGGTGCGCCGCGGCTCTCGGGAGGCCCCGCACCCACCCTCCCTCTCCACCCAGATGGACTACAGG
CGCGAGGCGCAACGCCTTCCCGTGGCAGGGGAGACCAGGGGAGCACCACCGGCGGCGAGCCGTTA

>trans_s_7736 AF183476|*Hormotilopsis tetravacuolaris* 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAGGAACGTTAACAATGAAGTAGTGAGCTCGTCCAGCCACAAGGGTGTGGTGTCTGATGAGCGTGCATTCCG
GCACCTTAACCTCGCGTTCGGTTCATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTG

>trans_s_7737 NM_118203|Arabidopsis thaliana TPP2 (TRIPEPTIDYL PEPTIDASE II); tripeptidyl-
peptidase (TPP2) mRNA, complete cds

TCCTGGGATGTAAACCCAGTGCAAATACCTGGCCAGCTCATCTCTGTCTATGCTATCAACTACCTCGTTTGCA
GCATCAATGACCTCTTCATCATGGCAGCTTCTGTCCTCAATATTTCTTTGAGAAATCAAACCTT

>trans_s_7738 HM063933|Eutrema salsugineum 14-3-3-like protein GF14 Psi mRNA, complete cds

AGGCCTTTGAGGAAGCCATTGCTGAGCTGGACACTCTGGGTGAAGAATCATACAAGGATAGCACCTTGATCA
TGCAACTCCTCCGAGACAACTGACTCTTTGGACTTCTGATATCGGGGATGAAGCTGGCGATGAGA

>trans_s_7739 AB063192|Cucumis melo CmEIL2 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

CAGTTGATGAGTTTCAGCGGAGAAGGACGAGAAGAGTTTGAAATGGATTACGGAAGGATATCGTGAATGAT
CAATTTCTTGGGATGTTTCACCAGAACTTGAAATTCAGTGGCTCCTAAAAGTCTTCTCCTCAGTT

>trans_s_7740 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

GCTGCGGATTTGACATAAGTCAAGTGGTAGGGGAGCGTTCTGTAAGCCGATGAAGGTGGATTGAGAAGTCTG
CTGGAGGTATCAGAAGTGCGAATGCTGACGTGAGTAACGACACGCAAAACAACCCACGCAACGCT

>trans_s_7741 Novel Gene

AGGAACGAGCGACCGTTCGCTCAGGAGTGAGATAGTGTATACGAGTTCTTGAAAGTAAAGGAGCAATAACC
AATTTCTTGTTTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTAAAGACAAGGCGGGACTACCCGCTGA

>trans_s_7742 XM_002863257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ORF64c, mRNA

CTGTCTACCTGAGACTGTCCCTTGCCCCGTAGGTCCTGACACAAGGTTAGAATTCTAGCTCTTCCAGAGTGGTA
TCTACTGATGGCTCGGGCCCCCGGAAGGGGGCCTTCTCGCCTTCCACCTAAGCTGCGCAG

>trans_s_7743 NM_125181|Arabidopsis thaliana GTP-binding family protein (AT5G57960) mRNA,
complete cds

GAAAGGTATGGGTGAGAAACAAATTGAAGTGGATAAGCGTATCTTACGAACACAAATTGGTGTCTCCGTAA
GGAATTAGAGTCTGTCAGGGTGCATCGAAAACAGCGTGAAAGCCGACGCTTTTCAGTACCTGTCCC

>trans_s_7744 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

CATGCCTACGATATCTGTGCTTCAAAGGCTCCACCTATCCTGTACAAGCTGCACAAACATTCAATATCAGGCT
ACAGTAAAGCTCCACGGGGTCTTCCGTCCTGTCGCGGGTAACCTGCATCTTACAGGTACTAT

>trans_s_7745 XM_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

TCACTGATGCTAGCATGACTTCCATTGCAAACAACTGCCCGTTACTCAGTGATCTCGATGTCTCGAAATGCTCG
ATCACGGATTCAAGGAATTGCAACTCTAGCTTGTGCCAACGTACCGAATCTGCAGATCAAAAGCA

>trans_s_7746 XM_002890819|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 4
(ERD4), mRNA

AGTGGTGAGTGTCATCGACTATATCGATAAAATGTATCTGGATAGATATTCTTAAAAAAGAATCAACCTGTTCTTCCTAGTTTGACCTTCAGGGACTGGAGGAATATCTCTAACAATAATGGCAAATTGTTCTGCC

>trans_s_7747 NM_001057115|Oryza sativa Japonica Group Os03g0589300 (Os03g0589300)
mRNA, complete cds

CCAACACACGCAAAGGTTTGTGAGACATGTCTGTCTGTTACTTGGAGGAGCATAATGTTGTGAGACAATCCCCGCTGGAGAAACGGCATCGAGTGTGACAAGTGTGATGTGCTTGGGGTGGGTGGGGTTGACTGTGTGT

>trans_s_7748 NM_001048548|Oryza sativa Japonica Group Os01g0147400 (Os01g0147400)
mRNA, complete cds

TAGCCGGTAGAGCCTTTGTCACCTTCACTCGTCGCTTGATAGGGGTTGTGATTGGAAAGGTAAATGGTAGGGAGACGGATAGAAAGAATCCTGAGATGTCGTCATAGGGGAGTCCTTAGGGTTGCGGACACTACACG

>trans_s_7749 U79114|Prunus persica auxin-binding protein ABP19 gene, complete cds

CAGTTGGTTTCCCTGTATTCACTAGCCCCAAGCCCTGGTCTCCAAATCCTCGACTTCGCACTATTTGCCAACGACTTGAGCACTGATTGGTGTCTAAGACCACTTTCCTTGACCCAGTTCTCATCAAAAAGAGGGGAA

>trans_s_7750 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant, complete sequence

CGTATGGATATGTAAAATACAGGATTTCCAATCCTAGCAGGAAAGGGAGGGAAACGGATACTCACGGGCCCTGTCTGCCCACTCCGGAACGCAGATCGAGACGCTCGCACGCGCTCGCCTCACGATATCGATGCGCGC

>trans_s_7751 DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

CTGGATCCATTTTGTGGAAAATTCTGGTTATGACAAAAATCCAGTTTACTAATGGTAAACATTTAATTACTCGAATGTATCACCAGAATCATTTTTTTTTTGGAGCTGCGGCCGCCGCGGGGGGGGAGCCCCC

>trans_s_7752 NM_113154|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related (AT3G22550) mRNA, complete cds

AATGATAATATTGGGACGTTGATGACAGTGAAGGAGATGGAGGTTTGTGAAGAGTATACTTGTGTTAAAAGACATGGGCCTAATGCTAAAATCACTCATATTTTGTGATAATTTGTGGTTAAACCTTGTTCTACTT

>trans_s_7753 EU326024|Triticum monococcum AccD (accD) gene, partial cds; chloroplast

AGAGAACTCAGAAAAGTTACCACAGGGATAACTGGCTTGTGGTGATTGGATACCTGCGATAGTACAGGAGGCTGAATCTTTATTCGATAAGGGCTTATTCGATCTAATCGTACCACGTAATCTTTGCCCCAACACC

>trans_s_7754 Novel Gene

AATTTTAATTAACCACTTCCAAAGAAGATGGATTCTTTTCAAATTTTATGAAGAGTATTTCTCCAGTTCCGAGAGTAGTAAGTCCCGTCGCCCCGCCCTCTTAGCAGAAGCCCCGCACCAATAATTCTGCCGAA

>trans_s_7755 DQ131514|Bambusa bambos voucher DZL200202 internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

ACAGGGCTTGGGCTTTAAGTCCACTACAACCTCCCAAACAACTATGAACAGCCCTTTACAAGTTTTCAATTCTT
ACGACCGCCAGTCCGATCTCGAAGCTTTCCACAGTACCACGTTGTTGACAGGGAAGGGTGCGG

>trans_s_7756 NM_001062472|Oryza sativa Japonica Group Os05g0496200 (Os05g0496200)
mRNA, complete cds

GACTGCACATAGAGCTCACGCTTCAACCGAGGGAGTCACCAAGTTTTGAAGCCATCCGTAGCTGGTTTCCTCT
TGCAGAAGGAACCTCGACTATCTTGTGGGGGCCGTGTCAAGCCAAAGAGGCCATTTGCTTAGCG

>trans_s_7757 XM_002888998|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-1 chain (TUB1), mRNA

TTCTAAAGGTGACTGAGATCTCACGTTGCTGGGAACACGAGATGTGAGAGGAGCAAAACCCACCATGAAAA
AGTGGAGACGCGGGAATGGGATAAGATTGACGGCAAGCTTCCTAAGATCTGAGTTGAGCTGTCCCCG

>trans_s_7758 NM_001068049|Oryza sativa Japonica Group Os08g0313200 (Os08g0313200)
mRNA, complete cds

ATCTGCGTCGACCACAGGAAGGCGGCGATACTTCGTCTGAAGCAATAATCTAGCAACATCCTCGAGATCGGTA
ATTTCTCGAACAACAAGAGGTGCTGTTGTCATTAAGTCGCCGACCACCTTTCCATTTGTTTTACT

>trans_s_7759 NM_001068587|Oryza sativa Japonica Group Os08g0478700 (Os08g0478700)
mRNA, partial cds

ATTGCGCGTTGAAGACGGTACGGGCGGAGGGCCCAATGGCACTTTACAAAGGATTCATTCCGACGATTTAC
GTCAGGGACCATTACGGTGGTGCTGTTTGTGACGCTGGACACCTGAATTCTCCACAAATTGAGCC

>trans_s_7760 XM_001769608|Physcomitrella patens subsp. patens Rab5/RabF-family small
GTPase (RabF2A1) mRNA, complete cds

GACGAAGGCGGAGAGCAGTCCAATGCCGATGAACTTTAGGTAGAGAGTTAATCCACATGACACTTGGTTACT
GGGGTTGAAGCATTGAACGATGGAACACGCAGTATGGTTATCAACAACGGCCAGTGGTAGTGTTGC

>trans_s_7761 XM_002894191|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytosolic tRNA-Ala synthetase,
mRNA

GAACGTGTCTTACCTTTTGGCTGCAAAGACAATTTCTGGGAGATGGGTGATACTGGCCCTTGTGGACCTTGCA
CTGAGATACATTATGACAGGCTTGGTGGTCGTGATGCTGCACACGGTTGGCCGCCGTGCTACCCCT

>trans_s_7762 XM_001703549|Chlamydomonas reinhardtii mitogen-activated protein kinase 4
(MAPK4) mRNA, partial cds

CAACTGCTGCGCCTCAACGGAGAGGATCTGGAGGTATCCTGCCGCTACTTCGCGCGAAGCTAAGTCAGACACT
TCCTGGGTTGGTAGTGCCTCTCGCAATGATCTCATCATCGCAATGGGAAGCCTCGTTGATCGCTC

>trans_s_7763 AF212157|Allium cepa S-adenosylhomocysteine hydrolase mRNA, partial cds

CGAGAAGGCTTTCTCTCCATTTGGTGATATCTAAAGAAGCCAAGGTCCGTTTGACGTCGAGATCTGGATTTGTT
CCGAATCGGCTTTCTACATCCTTAATCTGATCTCTCAGCTCACAGTCACCCACACCGTCCCCGT

>trans_s_7764 EU908574|Solanum lycopersicum glucan water dikinase (GWD) mRNA, complete cds

TGAGTTATTGCAGGAATTAACCAGGGGTGCTACCCTACAAGATCTCAGAGCTAGACTGACCAAAGGAAACGA
TGGGAGTGAAACAATGGAGCTATCCACTCCTAAAGACAAGACGATTCTGATGAACTTGTTTCGACT

>trans_s_7765 X80170|*O. berteriana* rpl2 gene

CGGCCACCTTTGACGTTAGAAGAGCAAAAGGCCCGGGGCATAGCTGGATGAACCAATGTGAATGAGTGTGTCAG
CTTCGTGACCCGAAGACGATTGGTGCTGACCACACTAGGTGCTACATGTTGCTACCTCTGGATTGG

>trans_s_7766 NM_001111472|*Zea mays* thylakoid assembly4 (tha4),
mRNA gb|AF145755.1|AF145755 *Zea mays* THA4 (tha4) mRNA, complete cds; nuclear gene for
chloroplast product

ATCTTGCTCTTCTCTGCTTCCGTTGATGTAGGCTTTTCTACTGAAGTCTCTTCGGTTGGCTCAGGTTCTTTCTTC
AGCTCGGACTCGAACTCAGGCTCTGCCTGTTGGAAGCTCTTGACTGTTTTCCCAATACTCTT

>trans_s_7767 AF262939|*Pisum sativum* chloroplast protein import component Toc159 mRNA,
complete cds

AAAGGAGTTATTTGATTCTGCTGCTTTGGCAGCACTTCTGAAAGCAGCTAGGGATGCTGGCTCAGATGGTGGC
CCTATCACTGTGACAACTCAGGATGGCTCCCGGCTTTTTTCCATTGAACGTCCTATGGTGAAAA

>trans_s_7768 EU022058|*Euphorbia pallasii* NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial
cds; chloroplast

CCTTCTAAACCAAACTCAACCGCTGAAAAACATCTCTAAAAATTAAACGAATATATAAAATTCACAATCTC
ACTTGTTACAGTGATTTGTTTGATTCTCGCCACCGGAGTTGCTCAGGAAGTTGTCTATTTCT

>trans_s_7769 AF428423|*Arabidopsis thaliana* AT3g07900/F17A17_24 mRNA, complete cds

CAATCGCTACGCCGATTCTACTGGGGTTTTGAAATCGGATGAAGGAAATGAGCAGGGGGAGTTCTGGAAA
CAACCTGATGGATTGGGGTATAAACCGTGTTAGATTTAGCGAAGAATATAAAAAATCAACCACT

>trans_s_7770 NM_179954|*Arabidopsis thaliana* protein kinase family protein (AT2G37840) mRNA,
complete cds

TTGTGAGAGCAGCGTCACCTCCCGCTCTTGTCGGTGGAAGGATAACAGGTCGTTTCTTGGTGGCCCGTCAAAT
ACTCTGTGGGTAGTTCTCAGCCCAACAACCACTTTTTTTTGTCCCTCAACACAACGTGGTGGCT

>trans_s_7771 FJ358540|*Gossypium hirsutum* bHLH domain protein (bHLH1) mRNA, complete cds

AATGACGGACTACAGATTACCCCGACCATGAATCTCTGGGCGGATGAGAACGCTTCCATGATGGATGTTTTTC
ATGAATACCGATCTGAGTTCTTTCTGGGTACACCGCCACAGTCACAGCAACTCCCTCAGCCCTC

>trans_s_7772 CP000590|*Ostreococcus lucimarinus* CCE9901 chromosome 10, complete sequence

AAAACATACGAACATTTTGCTCCAACACTAAATCGTATCATTTCTAAGAAAATGTCTCGTGCAGCAAGCAAGCT
ACAGCTCTCCAGGGAGGATATAAAGGAGATTTTAGAGAGCACTCACGATCACCTCTAAACCGA

>trans_s_7773 FJ425789|*Lecanorchis nigricans* voucher Yukawa s.n. (WIS) 26S ribosomal RNA gene,
partial sequence

AAGGTACCGGTGGTGAAGTAGTGAGCTCGTCCAGCCACAAGGGTGTGGTGTCTGATGAGCGTGCGCCCGCCA
CATACGGCCCGCGGAATACCTATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGGA

>trans_s_7774 AY664413|Zea mays cultivar B73 locus 9002, complete sequence

TTGCGCCTGATAATTGAAAGATTTCCCTAGAACTGAGGGCTCGAAATTCAGACCTTCGGACGTCTCTCAAAT
TCTTTGACCGCGGAGAAGGAGTCATTCAATTCCACACTCAAATAACTCGACTCAGAAAGTGTCTG

>trans_s_7775 GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

TTACGCAGGCCAGAGCGATTATTAGTATCAACAGAATCCAACAACCAAGAGGAGAAAGCAGCCATAGGCAGT
GAAAAGCCAAGTGAGAAAAAGAAAGAGCTCTCAGTCTGTGTTAGGAATGTATGTCTGGACCTGGTA

>trans_s_7776 GQ998271|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 RNA polymerase beta
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TAAAATGCTTGGGGGTGGAAATGAGAGAATGTCTACAATACCTGCGTTTAATCAGATACAATTTGAAGGGTTT
TGTAGGTTTCATTGATCATGGCTTAACAGAAGAACTTTCTAAGTTTCCAAAATTGAAGATACAGA

>trans_s_7777 U74213|Lotus corniculatus ribulose 1,5-bisphosphate carboxylase-oxygenase large
subunit (rbcL) gene, chloroplast gene encoding chloroplast protein, partial cds

AAAAGTTACTTCCCTTGGGGAAAAAGATCCTATTGGCTCTTCAGGAAAGCTTAATGGGAATACCGCAATGGAA
ACAGATTCTGATGACAAGGAAAATAACAGCAATTGCTCTCTTGTTACAGAAGAAGGGATCAGTA

>trans_s_7778 EU002534|Qualea parviflora RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

AGTGAGAGGGGAAAAAAAAAAGGATTGAACTCAAAATATTTTCTGGAGATATACATTTTCTGGAGAGATGGA
TAAGATATCCCGACACAATGGCATCTTGATACCACCAGACCTCTGCACTAACAACCACTTTGTTG

>trans_s_7779 XM_002875885|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata membrane-associated
progesterone binding protein 3 (ATMP2), mRNA

TGAGGATGACTTGAAACAATACGATGGCACCGATTCCAAGAAACCCCTTCTCATGGCTATCAAGGGCCAGATC
TACGATGTTTCTCAGAGCAGGATGTTCTATGGACCCGGGGGGCCCTATGGGGAAAAACAGTTCC

>trans_s_7780 NR_022694|Arabidopsis thaliana (AT3G05905) otherRNA

ACAATGATCAGCAAGACATAAAAGAAAGAGCTGACAAAGTGAAAAGGATGGATATGAATATGTGGGACTTT
GTTTCATCCCTAAAGCACTCAAAACACTACTAAAGAGACAGACGCAAAGTCCCACTTGAGCCTCTA

>trans_s_7781 EF584900|Glycine max OAS-TL4 cysteine synthase (OAS-TL4) mRNA, complete cds

ACAAGACCTTACCTACCAGCTGAGTTACATCTGAAGCGATGTTAAGATCTTCAATCTCAGTTTGAGGCTTAAC
GAAACCGCCTTGCAAGTAACAGAGAGTGTGCCATGCAAATTGCTCTTACTCGGGTGAAGAGAT

>trans_s_7782 DQ911149|Cucumis sativus S-adenosylmethionine synthase-like (SAMS) mRNA,
complete sequence

AGAAAAAAAAAAGTTTTGCAGGATTTCTTGTGCGGGGATCTTCCCGTTTTGTATGTATCGACGAAAACGGATA
GTGGCTCTGGCACACCGATGGCGTAAGAGACTTGGACAATGACACTACGTGCAAGCCCACTGGC

>trans_s_7783 AF234537|Pelargonium graveolens chloroplast translational elongation factor Tu
(tufA) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AGGACGACTGATGTCACTGGCAAGGTGTCTTCGATTATGAACGACAAGGACGAGGAGTCGAGGGCAACCGC
GCCAGGAGACCGAGTGAAAATGGTTGTGGAAGTATTATGCCTGTGGCTTGTGAACAAGGAATGCG

>trans_s_7784 XM_002894191|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytosolic tRNA-Ala synthetase,
mRNA

AGGACTAACGCGTGATTCGATTCTGCTATCAGGTGCAAGACCAGCTTCTCATCTCCACCGAAGTAGGTAGCA
TAAATTCGATCTGTGGGAAGCTTATAAACCTGAGTAAGAAGTCCAGGCCCATGTGATGGCTT

>trans_s_7785 FJ063300|Pinus taeda isolate 7718 anonymous locus 0_17809_01 genomic
sequence

GCAAGAGATGTCTTTGGATTACCATTTACAGTGGAACAAGAAGTTGGTTCTGCTACTCATGCCTTCTTTGGCT
TCAATGGAAGTGTGGTGTATGGAGAATTGCTGCCATGCCACAGGTGAACAACGTTCAACCGG

>trans_s_7786 AY762614|Brassica napus glycolate oxidase mRNA, complete cds

AGATGGAGATTACTAATGTCACCGAGTATGAGGCTATTGCAAAGGAGAAGTTGCCAAAGATGGTTTATGACT
ACTATGCATCTGGTGCAGAGGACCAGTGGACCCTGAAGGAGAATCGAAATGTGCCCCCTGAAGCC

>trans_s_7787 D86306|Cucurbita moschata mRNA for proton-translocating inorganic
pyrophosphatase, complete cds

ACCATAACGTTGTTATTAAATGTGCCGAAATTCAAACGCCATCTCTGAGGGGGCAACCTCCTTCTTTTCACG
GAGTACAAGTATGTTGGCATCTTTATGATATTGTTGCAGCATTGATTTTGTATTCTTGGA

>trans_s_7788 CP000584|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 4, complete sequence

AGGACGATCAGAGTTGTCTTCCTTGTGCGCGTCATCTCTTATCTGAGTTCCTATATATATTCTACTCAATTGTT
GAGTGTGAGGAATGGGATTTGCCTTTATTCTTAAGGGGCGGCGGAAGAGAATGATTACTC

>trans_s_7789 FM208027|Eleocharis quadrangulata partial ppc gene for phosphoenolpyruvate
carboxylase, specimen voucher WS E.H. Roalson 1534, exons 8-10

CATCGCTTTGTAGATTATCTTTACAAGTGTTTCTTGCTGTCCAGGTTTACCTTACCTGCACTCCTTGGACTATGC
CATGTCATTAAAACGCAGCTATTAACCTCGCGTTGTTGAAAATGATTTAAAGGCTATGAGTT

>trans_s_7790 AF254866|Amaranthus tricolor 23S ribosomal RNA, complete sequence; chloroplast
gene for chloroplast product

TAACTGTTCAAGTCACTTTCCAATTTACAGGTCCTGACACAAGGTTAGAATTCTAGCTCTTCCAGAGTGGTAT
CTCACTGATGGCTCGGGCCCCCGGAAGGGGGCCTTCTTCGCCTCCACCTAAGCTGCGCAG

>trans_s_7791 XM_002508031|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8 E3 ubiquitin-protein ligase
(MICPUN_60437) mRNA, complete cds

GGAGATAGTATGTACGGCCAAGGCGGGCTTTCGTA CTGATTTTAGGTTCTGCCGTAGGCTCGGTAAAAAGCTT
AGCGAAAGGTCTTCCTCGCGCCTTCGCTGATCTTCTTGGTACGGAATTGCCTTTGTCTGAGTTT

>trans_s_7792 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ACCATTGTATCACTTAAAAAAAAATTATAGATCCAATGTCACATTCAGTAAAGATTTATGATACATGTATAGGG
TGTA CTACGTGTGAATCTAGGTAAAACGTCTACATAATCTTTACTATGGAACAAATAAGCAC

>trans_s_7793 Novel Gene

TCTTGGCTCTTGTGGCCACTCATGCCCTAGCTAGACCTACACCAAAGGATGACACGTTCA GTGACCAAAAGAA
CTTCCTGACCTATGGTGGCGTCGGTGGCTACTCTGGCATCGGCAGCGCGTGCCTCAATCCACAT

>trans_s_7794 XM_002873895|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat
family protein, mRNA

TGAGCTATTGAAGAGACACAAGGATGGTTCTTCTCGAGCTGTAAACAGTGTTATTCGTAGAGCTGCAGATGCC
ATTACAAATCTTGCCCATGAGAACAGTTTCATCAAAACGCGGGTTAGGATGGAAGGTGGGATTC

>trans_s_7795 Novel Gene

GAAGATTAATCTAGGAATTCCTGACACAATGTCCTTGGTATTAACCTACCCTGTCACACCTTCACAGGGATGA
AATTGCTCCTATTTGGTACCGACAGATGTGGCGTCTTTCATATAAACTTGGTAGTACAGGT

>trans_s_7796 EU153249|Ipomoea nil RelA/SpoT-like protein (RSH2) mRNA, complete cds

CAAGCGCGGGTAAACGGGAAATTGGTTCTCGATCTTCATCAGCGTCGTCAACAGCGTCGACTTCTCAGAAGCC
GGTGGCTGGTGGACTTTCGTGTCTCTTTCCGCTTCACCTGTACGTCACTCTTGAGAGTCAA

>trans_s_7797 EF207451|Paeonia brownii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGCGTTCATCCTGAGCCAGGATCGAACTCTCCATGAGATTCATAGTTGCATTACTTATAGCTTCCTTGTTTCGTA
GACAAAGCTAATCTCATAATCCAGCGCACGGTAGCTTCGCGCCACTGGCTTTTCAACCAAGC

>trans_s_7798 NM_001056415|Oryza sativa Japonica Group Os03g0305100 (Os03g0305100)
mRNA, complete cds

TAAATGCTCAAACAATTTTCATTTCTTCTCGGTCACTCAGCATCTGCAGTTGTTATGGCGGATCAAGAGTTTTTCC
CTTTAGCAGAAGAAGCTTTGAACATACTAGCCGAGCCTTTGTCGTATTGCGCACCGCCACCA

>trans_s_7799 XM_002867970|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata dehydration-responsive family
protein, mRNA

TGAGGGCTTCTCTACTTACCCAAGGACATACGACTTCATTCATGGGAATGGTGTATTTGACCTGTATGAAAACA
ATTGCAATCTTGAGGACATACTTCTAGAGATGGACCGTACCTTGAGGCCAGAGGGAATCACTG

>trans_s_7800 BT029747|Arabidopsis thaliana At2g43260 mRNA, complete cds

CAATAGTCAACAAGGTTATGGGTATGGTGGAATGGATGGAGCTAATGCTATACATCAATGGCATCATCAACA
ACACTGCATGATTCCACAGTTGCCACAACAAACATCTTACCCATAACTTGGTTTCGTTGATGGT

>trans_s_7801 DQ118095|Vitis vinifera AlaT1 mRNA, complete cds

TGGTCAATGCCTTAGTGAAGCAAATCTGAGAGAGATACTAACTTCTGTTTCAAAGAAAAGTTGGTTTTGCTCG
GAGATGAGGTTTATCAGCAAAATGTATACCAAGATGAACGCCCTTCGCCGATTCTATCCCTG

>trans_s_7802 XM_002889410|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C2 domain-containing protein,
mRNA

GAATGGTGGTGAAAGCTTAAAGAGAACAGTATCATATCTTAAGGCTCCAACAAAAGTAATCAAAGCTGTCAAA
GCATTTGAGGAACAATCGTACCTAAAAGCTGACGGAAATGTTTATGCAGTGAGCACTGGGTTCC

>trans_s_7803 AF175964|Lycopersicon esculentum JAB mRNA, complete cds

GATTTAGCTGAAAACTTGAGCAGGTGGAGAATCAGTTAGCTCACTCCCGCTTTGGGCCATTGATAGCTCCTT
CTCAGAGGAAGAAGGAGGAAGACTCCCAACTTGCTAAGATCACTCGCGACAGTGCAGTCTATTG

>trans_s_7804 XM_002869356|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata subtilase family protein, mRNA

AGCTCTTGTTAAACAGAAGCATCCAACTGGAGTCCTGCAGCCATCAAATCGGCTTAAATGACAACATCAACA
ACAATGGACAGAGGAGGAAGACCTCTTAAAGCACAACAATTTCCGAAACAGAAGCCATGAAAT

>trans_s_7805 NR_022701|Arabidopsis thaliana (U4.2) ncRNA

ATACTAGTCTTACGAAGCGTGAGTTAACGAGTGAAGTTGAGACACCCTGTCCTGGAGGTACTAACCGAGGCG
CGTCTATTGCTGGTTGAAAAGTATTTCCAAACCCCTTTTCCGGACCCGAGGGTTTTTTTTTTC

>trans_s_7806 NM_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

AGATGCACTCTCCATTGCCAAGGATATAGGATACCCAGTTGTTGTCCGACCTTCTTATGTTCTAGGTGGTCGGG
CAATGGAAATTGTGTATAGTGATGATAAACTAGTGACTTACCTTGAAAATGCCGTGCTACAAA

>trans_s_7807 AB491638|Pyramimonas parkeae gene for 26S rRNA, partial sequence, strain: NIES-
254

GACCGATAGCAAACAAGTACCGCGAGGGAAAGATGAAAAGGACTAGAAAGATATCCTATATCCAAACGTTAC
AGTGTGAACCATCGGGAAAATTTGGTTCTCTACCGCGTCGGGGATAAGGGGGAAAAAGCCCTTC

>trans_s_7808 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

AATTGCTACATTTTCACATTGGATCCCAGATCCCCTCTACTGCTTTGCTCGCTGATGGCGTTGGCGAGGCTGCT
CAGATCTATTGTGAATTGGTCCGTCTCGGTGCTTTGTACGCACAATAACTGTAACCTCCACCA

>trans_s_7809 XM_003058994|Micromonas pusilla CCMP1545 central pair complex 1 (CPC1),
mRNA

CTCGCTGTTCCGTTTCAGAATCAGAAACCGGCAGTTCCTCTGCTTCCCTCTTCTCAAGGTCGTCGTCCTCAATTG
ATTAGGGTTTCTAGTCGCCGCTGTTCTTCGCCGAAAGTCGTTCTTCTCAGATTTCCCATAG

>trans_s_7810 AF139499|Prunus armeniaca p85RF mRNA, complete cds

CGGAAGTGCTGCAACTATGAACATGTGTTCAAAATGCCACAAAGACTTCATCATGAAGCAAGAACAGGCCAA
GCTTGCAGCATCCTCGTTTGGAACATCGTGCCGGTGTTCAAACCGTCAACACCGTGAGGTATCA

>trans_s_7811 AB071202|Daucus carota transposon TdcA1-ORF1-ORF2 gene, partial cds

GATGACCAGGTGCGAAATTCAGAGTCTAATTCTCCAGATTCTGGTACAGCAACCGAGCTTCAGTCAGCAGATA
AAAGGGAATCTTCTAGTCCTCAGGCATTGGATACCTATGCTGAGATTGGACTGGTTAGGGATAA

>trans_s_7812 Novel Gene

GGGGGCATTCGTATTTTCCTTAATTTCTTCTTTCGCCTACATCTTTATGTCTATCTATGTTGATTATCTCTATAGT
GCCAATCTAAGTACGTAGTTTTTTTTTAATTCTTCTCGCCGCCCCGGCGAGGCCCGCCCC

>trans_s_7813 Y00842|Rice rab21 gene for water-stress inducible protein RAB21

TTTTACCCCTTTTATTTGCTTGGCGGTCATCACAACCGGGTAACTTTTTGGTATGACATCATCTGCGTCT
TCCTGCTCGGTTGTTGTTGAAGATTCTTCAGAGTCTTCGTTCCCCATCAAATAATGGCTTA

>trans_s_7814 AF024635|Petroselinum crispum NADPH cytochrome P450 reductase (CPR1) mRNA,
complete cds

GATGGTGAGCCAACGGATAATGCGGCAAGGTTTTATAAATGGTTCTCTGAGGGGAAAGAGAAGGGAGAATG
GATTTCAAATCTTCAGTATGCAGTATTTGGCCTTGGTAACCGGCAATATGAGCACCTGTATTCAA

>trans_s_7815 Novel Gene

ACAAAATGCATTTTCGACCCCGTCTACGTTCTCAATCATTTCTGTGGCACCGGGCGTGGCTGAACCATCTACTCAG
GGGGGAGCGAATACACAGGGAAGAAGCTTAGATAAGAGAATACGTACTTTGAAGGCCGAAGAG

>trans_s_7816 Z11882|S.tuberosum U1snRNA variant gene U1-10

GCCATTCGCGAGATTACTTACCTGGACGGGGTCAATGGGCGATCAGGAAGGCTTGCAATTCGAACCAACAGT
TCTTGCCATGTGCGTTAAGGGGTAAATGAGCCTTGAGTAAACAAGTGTCAGACCCTACGTCGTTT

>trans_s_7817 AB038692|Vigna unguiculata S1-3 mRNA, partial cds

TACAAGCGTTTACTGTTGTAAATTTGACGAAGAAATCATCAGGAACGACAACTCTGCAGTTGTGTGTCATAA
GTTGAGTTATCCATATGCAGTGTTCTATTGTCATTACACTCACACGCACATCAAAAACCCAACC

>trans_s_7818 AY621631|Nicotiana glauca lipid transfer protein (LTP3) mRNA, complete cds

TCCCATCTCTCAGAACCGTTCATGAAATAGTTCTTAAATCTACAGAGAGAATCTCGGCATGGGGCTGGAACCTCT
GTTACAATTGATCGTATTGCTGTGAGTTTTTACGGCTTTTTTGAAGTATCTCCATACACCCGC

>trans_s_7819 XM_002322118|Populus trichocarpa nucleobase ascorbate transporter, mRNA

CTGTCAGTAGTGTCTACGCCATCCACACTATCACCACACAGAAAATGACTGCAAAACGATCAAATATGTGCTTT
CCAGATTTGATGATGTGAGGCAAGTACTGTGAAACAAAGACTAAAAGGATAAGCTCCGGCAGT

>trans_s_7820 GQ253430|Brassica napus mercapto-pyruvate sulfurtransferase 1 (ST1) mRNA,
complete cds

CCTGATTGGCTCCATTCTAATCTCAAAGAGCCTGACTTGAAGGTGTTAGATGCATCATGGTACATGCCAGATG
AACAAAGAAATCCTATTCAGGAATACCAGGTTGCTCACATCCCTGGTGCCCTTTTCTTCGATGT

>trans_s_7821 FJ088024|Pinus taeda isolate 5413 anonymous locus 2_10073_02 genomic sequence

AATGGCGAGTGTGATGTTAGTATTTATGAGGCATTAGAGAACCCATCAGAAGGCAAGAAGAAGATAGGTTTC
GCAACTTTCGCGACAGGTATCGTCCATGGGCTACAACCAGATGCTTTGATGATGATATTACCTGC

>trans_s_7822 EU016687|Yucca schidigera 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial sequence; chloroplast

AAAAATGCCAAGCCTCTGTTGGCGTTTTCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAACCTGGGT
CGCGTCTCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCTACCGATGCATTTTGACATCCACAGCTT

>trans_s_7823 HM363080|Chasmanthium latifolium photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB) gene, complete cds; chloroplast

TCTTTATCTCTAAAAACAGGGTGTCTTAACCAACCAACAGCTATTCCATCCCCGTTGTCCATGGAACCCGCTCTG
AATAATCCAATCCCTGCGGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAACGG

>trans_s_7824 AY105433|Zea mays PCO099019 mRNA sequence

ACAAAACCCGAGGTGACGATATCGACCATGGGCCAGCAACCATCCCGCTGTAACTCCCGGCGAGTATTACTT
CATAAGCAATGAGGATGGGCACTGCCAGCAAGGTCAGAAGTTAGCGATCAACGTCACAGCTGCC

>trans_s_7825 BT002305|Arabidopsis thaliana At3g62590/F26K9_20 mRNA, complete cds

ATGTGTACAGCGGTAACCGAATCTGTGGTTGCCATCAAAGAAACCATGTCTGAGTTCATCATATCGCCATTGTT
CTGACCTGCTTCAAGTGAATCCTCAGTTTTAGAAGATCTGAACGGTAGTATTTTTACGGTACG

>trans_s_7826 AY260035|Fendlerella utahensis 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GATGGGGGCAAGAGCCAGGCCCGATGAGTAGGAGGGCGCGGCGGTCGCTGCAAAACCTTGGGCGTGAT
TTAAGAAGACTTTAGGTAACCTCTGAGAGCTGGCAGAATCGAACCTAATAATCTCCATTGCCATC

>trans_s_7827 AB112480|Atriplex nummularia AnSAMS mRNA for S-adenosyl-L-methionine synthase, complete cds

GAGTGGTGCTTACATTGTCAGGGCAGGCTGCCAAGAGCATTGTAGCAGCTGGTCTTGCTAGGAGGGCAATCG
TGCAGGTCTCTTATGCCATTGGTGTGCCGGAACCGTTGTCAGTCTTACCAAGTGTGCGCAAGTGT

>trans_s_7828 HM062767|Miscanthus sinensis elongation factor 1-alpha mRNA, complete cds

ATCCGCATCTCCTTGGTGTGGAAAAAGCCCCTCTGCAAATTCTTGTGGTTCGATTAATACCAAATGGGTAAGG
AAAAGACTCATATCAACATCGTGGTTATTGGCCATGTCGACAGACCCTTCAGCTGGTGGTGTGG

>trans_s_7829 AB177381|Oryza sativa Japonica Group OsDDM1b gene for chromatin remodeling factor DDM1b, exon 1-15, complete cds

GTCGAGATACAGCCGGTAACCTGGTGAATTCCACAGACCGCCGCCACGATGGATACCCTTTGGCAGGCTACCA
CCTGCTGAGATGGCCCCAAGGCGGTCTGACAGACTTCAATTAAATTTTCCGGGTCCCCCCTC

>trans_s_7830 NM_001053177|Oryza sativa Japonica Group Os02g0307200 (Os02g0307200)
mRNA, partial cds

GCCAATGATTTAATCCAGTAACAGCACCATAGTGGGAACTGATCGATCCTGACCAGACAAAAGCCCTGGGT
GTAACCTCTGCCTTGTGGATCCCTTAGCTGGCAGTTTACCTGTCGATGATGGCTTTGTTGCATTT

>trans_s_7831 AY531661|Lycopersicon cheesmanii UV-damaged DNA binding protein 1 (hp1) gene,
promoter and complete cds

TGGAGGGGGACGGTAAATCGCTGGTGATGTGGTGATAGGATTTTCTATATTTTGTTCTCTTCACCTCCCATA
ACCAGCTAGATTGCAGACCAACCTTACCCCTTCCCAGATGGTAGCTTCGAATATCATCTCTG

>trans_s_7832 AB024716|Oryza sativa mRNA for ferredoxin-dependent glutamate synthase
precursor, complete cds

CAGTGCTTCAGTACTCATCAGTTTGCTTGTTTAATTGGATATGGTGCAAGTGCTATTTGCCCATACTTGGCTCTG
GAAACTTGTGCGCATTGGCGTCTTAGTAACAAGACTGTAACTTGATGAAGAATGGAAAGAT

>trans_s_7833 AY189073|Hedera helix 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

AACAGATGTGCCGCCCCAGCCAACTCCCCACCTGACAATGTCTTCCGCCCCGGATCGGCCCCAATCCTGCCCC
GAAATGTCCAAAAAGAGGGGCGAGTGCCCCGCTTCCGTTTCACGGAATAAGTAAAATAACGTAA

>trans_s_7834 X85013|C.sativus mRNA for T-complex polypeptide 1

TTTTGGGCACTGGTGCATCAGCAGATGATTTGCCTCATCATCAATCCCCATTGACAAATAACCAATGTAGCAC
CAACATCCTTGCAATTTCTGCACCATGTCATCGAAGTATTTCTGTTCTGTAGTCTCAATGTCT

>trans_s_7835 XM_002890820|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata photosystem I reaction center
subunit X psaK, mRNA

GGAGGCGAGGGACTCTGGGCTACAGACGGGTGACCCAGCGGGTTTCACCCTCGCCGATACTTTGGCATGTGG
CAGTGTCGGCCACATCATTGGCGTCGGTGTGTGAGGTTAAGTTTCCCGTAAAATCTCCCTGCCC

>trans_s_7836 X68256|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 6

GCTAAAAATCCGGTACATTCCGTTTTGTTTTTCATCCTAGTCTTTTGCAACACTTCAGGTTTACTTCTTTGTTAG
GTCTCGACTTCTTCGCTATGATCTTCCTAGTAGTTCGATATCTCTAGCGCGCGCAAAATAG

>trans_s_7837 Novel Gene

TGGAGGGGAAGTAAGATATAAGGGGGGAAGAGTGAGGGACTGACATCCGAGTGAAGACATTTTATTTAATT
TGTTGTTGAATTTGGTATATCATCTATATTATTGAGTGGGAAAGTGCGCGAACCACCGAGTCTTTG

>trans_s_7838 XM_002884667|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mRNA capping enzyme family
protein, mRNA

AAACAGTGCTTTACCCCGAAGATCTCTTCCACTCGGGTGTGGATGGGCAAACAACTGCATCAGGTTTTCTTTG
TGGTAAAAGGTATATAACGCATCAACGTAGTCTGGCTTGTAATTCCAGGAGGACGTGCATCA

>trans_s_7839 NM_001189827|Oryza sativa Japonica Group Os12g0109700 (Os12g0109700)
mRNA, partial cds

AATGCAAATCTGTTATTGAACGTCTCACCTCATCTCCGAAGCCTTCTTCTCCATCTTCTCCGTCGTCTCCTACTGA
TTCCGAAGCTGAAGGCGCGGTAGGACCAGGTAGACATGATGACAACAACCTGCAGGCATTC

>trans_s_7840 D10959|Oryza sativa mRNA for GOS2

CAACTTGGCTCTGCTTTGCAGGTTGATGATAAAGAAGAACTGCAAGTACTATGATCGATGCTTATGCTCAGG
AGCACATACTTCTCAAGCGGATAAAGCGCGCTGTCCCGACACCTGGTTTGACAGTTTGACGT

>trans_s_7841 NM_001063452|Oryza sativa Japonica Group Os06g0167000 (Os06g0167000)
mRNA, complete cds

GTGTGTGTGAACAGTTGCCTCACGGAAGTAAGTCATGAGACCAATCAGAGCAGTATTCCATTTGTTGACAATT
TTCGTAAATGTTGTGGACCTGAAGACATACGAAGAGCCGACATCCGATTTTCAAACACCTTC

>trans_s_7842 NR_022771|Arabidopsis thaliana (AT3G24615) ncRNA

TAATGGGAGAGGGACTCAGAATATGGGTGGTGATATATCAGGATGGTCGTCAAATTGCCCGTGTGACGCTG
ACGACTGTCCGTTTCGTTTCACTATACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCG

>trans_s_7843 HM171281|Triticum aestivum coat protein II (COPII) mRNA, partial cds

TCCTCTGTACTGATTTGCACAATGCTAACCCATATAAAGGCAGGAACCTTAAGAGACTCGGGATATATCATTCTG
CCTCCCAAGCGATGATGTACAGCATAGAGTTACGATACTCTCTGAAGGCTTTAACGATTCT

>trans_s_7844 AJ007547|Zamioculcas zamiifolia coxI gene, exons 1 and 2, partial

AATCTCGAATATGACCATTAATACAATGAATTAGTTTCATCATACCAAGTTGATTATGTAGTCGATAACGATAA
GCTTTAGCACCTGATCGCATTTTCATACTTCCACCAAGCATATCTTGGATATATCGTAGTAG

>trans_s_7845 AF525938|Casuarina equisetifolia 23S ribosomal RNA and 4.5S ribosomal RNA
genes, complete sequence; chloroplast

AGTCCCTGCTTTCAGCCGGAATCACTAGGCTCGGTGTTTTCTGTTCCCCCGGCACGCTCAACGGATAAAAGTTA
CTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTCCGTGAGA

>trans_s_7846 XM_002304456|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB10), mRNA

TGACGGAGCGTTCTCTTTGGTTTAGTAAGTATAACGAAAGAGCCTCAGTGAACCTCATCTCATCCATACCCTCC
CCTGTGTACCAATGCAAAAACGCCTTCTCCTGAACATGACCGTGAATTGTTGAGAACTCG

>trans_s_7847 AF317995|Arabidopsis thaliana small nucleolar RNA R70, complete sequence

AAAGCTCAGTGGAAGGAGAAGTCGTTTAATATATAGGCTCACGGCATAACTTAACTAAAAGCTATGTCCACTG
CCCATAACACATCAAAGTGTTAATCTCATCATAGCTTCATTTGTACTCCCTTCTGGTACCA

>trans_s_7848 Novel Gene

AATTAGAATATTTAGTTACTGATTAACCATTTAATTCCACATGTTTGAAGAATAGTCAACGACTTAATTCAGGAT
GAAGAATAGTCAACAAATCTAAAGTTGCAAGTGGAGCACATGAAATTCACATATTATAATA

>trans_s_7849 XM_002314593|Populus trichocarpa SIN3 component, histone deacetylase complex (SNT902), mRNA

GGTGTCCCTTCCCGACCTCATGGAGCCGAGGACACTGAAGATGTTATTAAGGCAAAGATCCATCCTACCAAGA
GTGCCACTGTGGTAGAGAGTGATGGAAGTCCTGGTGGTTGTGTCACTATGATGTGTTTGTGTTG

>trans_s_7850 GQ232757|Allium cepa GIGANTEA (Glb) mRNA, complete cds

ACGGTTTAAATTTCCCGTATTAAGTCCGCAATATCCTCAGGGAATTGTTCCGATGTGAACTGACCCAAGCATT
CTACATACGTAGTGATTTTCAGCTTTTCTTTGTTGCTCATCTCGAGGTGGAGTCCAAAACAAA

>trans_s_7851 Z15151|Chloroplast Chlamydomonas gelatinosa rrnL gene

AAGTGATATGCGTTAAGTCGTCTGGGAGTTGCAGACAATCAACATGGCATCATTTTCAGACCGCCCGTCTGCTA
TTTCTCTTCATTGGTCCCTAAAGACGCCGGCTCATTCTTCAACAGGCACGCGGTTCAGAGTCTCT

>trans_s_7852 NM_116209|Arabidopsis thaliana CKX6 (CYTOKININ OXIDASE/DEHYDROGENASE 6);
cytokinin dehydrogenase (CKX6) mRNA, complete cds

GCTACAGTTTCATCTGTGCCGTCACCAAAGGGGCAGAAGACATCTCCTAATGAAATTTGGATACTCTTGATGC
CATGCATACGGCAGATGGTACAAGTAAGGATCCCCGAGGCAGGTACCAAGGAAGAGAGGTGGT

>trans_s_7853 XM_002313333|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR907), mRNA

ACTGGCAATTCATCTATCCAGACCGATCATGTATCTGGAGTTCCAATGGCTCCATCATCTCTTCTGGGATGCC
ACCTACCTCCCACCTGGGCAGATGGCAGCTTTGCATCCTGCCCTGCCATGCTGCAAGTGTC

>trans_s_7854 HQ127081|Solanum lycopersicum auxin efflux facilitator SIPIN10 mRNA, complete
cds

AAGAAAGGAGTCTCCGGTTTTTCAGACTCCTAACGGAGGGTACGAAGAGCAGTTAATAAAGAACAAGTGGAG
CGGAGGGACTTCGTGTAATAACTTAGGAAGTCCACCTGGCTTGCGCCTGGAGCTCTACTCCTCT

>trans_s_7855 AY242527|Arabidopsis thaliana 26S proteasome subunit RPN2b (RPN2b) mRNA,
partial cds

CCTCTACATTAGTACTTCGTAGACTATCTCGTAGGAACTGTTTTATGCCTTCACCGTGGTTGGCATGAATAAGA
CCTAGAGCATAAAGGGCACCACTCTGAGTAAGGACTGCCACCTCCACCAGACGCACCTTG

>trans_s_7856 XM_002867907|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 3
(ERD3), mRNA

CCATGGACAGAATTTGGTGAATATACTTGCTAGAAATCAACCGAATCCTCCGTCCTGGGGGTTTCTGGGTTC
TATCTGGTCCCCCTGTCAACTATGAAAATCGTTGGAGAGGATGGAATACGACTGTGGAACCTG

>trans_s_7857 X79794|N.tabacum mRNA pNLA-35

ACAAAAATCTAAGCCAGAAGGATTTGCAGTTGATAGCTTCTTCTGTTCTTTAGCAGCTCTTGCAAGTGTCCTCC
TACGACTCTAAGCATGGTGCTTCTCATTTAGGGTCCAGGTGTAGAGGGAGATAAGATTTGAG

>trans_s_7858 AY354206|Cucumis melo Ananas Yokneam aminotransferase 1 mRNA, complete cds

ATCTTGCTGTGCTCTCAAGAAGAGTTTCGTCAAAGCAGGAACGGCAGGCGAACGATAATCCTCATTGTTTC
GGTTCATTGCCCCGAGAACCGGTTCCGGAATGTTGACCGGCCCTGGGACAAAGAGATGGTTCT

>trans_s_7859 NM_001068587|Oryza sativa Japonica Group Os08g0478700 (Os08g0478700)
mRNA, partial cds

CCGTACAGTGGGGCGTTGGACTGTGCAATGAAGACGGTGAAGGCGGAAGGGCCGATGGCTCTTTACAAAGG
ATTTATTCCGACGATTTACGGCAAGGGCCTTTCACGGTGGTCTTGTGTGTCACCCTGAACAAG

>trans_s_7860 NM_001050763|Oryza sativa Japonica Group Os01g0746200 (Os01g0746200)
mRNA, complete cds

ATGCTTCCAATGGTAAACTCCAGCAATCTTCATAATGTTTGAACCTAAGGCTGTTGAGTTCATATAAACGACATA
TCTCAAATGTGAGGAGGCACCCCTTCTCCCGAAGTTACGAAATCGCCCTGCCGAGTTCCTT

>trans_s_7861 X06810|Soybean gene for U1B small nuclear RNA

GGATGGGGATATTGGGTGATCAAGCAGGCCCATATCCTAGGCCCATGGCCTCCATTGCACGTAGGAGGGGTG
TGGGCTTAAGGCCTGCCCAAGTGGTGGCGCCTACATCATAATTTGTGCCAGTGGTGTGTGTATT

>trans_s_7862 GQ421469|Hordeum vulgare subsp. vulgare gibberellin hormone receptor gene,
complete cds

CGAGGGACGGAGGAGGATCTCCCTCTCATTTTTTTGCAGATCATAGCGATCTGTTGCATAGTAGAGGGATGTA
CCTCTTTCGATGGCCAATTTTCCCCAAGAACAACAGTACCAGAATCTACATGGCTAGCGTAGC

>trans_s_7863 FJ708669|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

TTGACGTATGAGACCACGGTTTATAGGTTTCGTCCCGGCGATCCTCGTCTCAATAGAACCCTTACCTTCTGGTG
CTAGACGGACAAGACCAAAGTCTGCAACCTTAGCTCTCATATCATCTCCAAGAAGAATGTTT

>trans_s_7864 XM_003056076|Micromonas pusilla CCMP1545 minichromosome maintenance
Mcm7 like-protein (MCM7), mRNA

TTATAACAATCATATTTATTGTCCATTTTGATAATTATATTGTTACTTTTATAATTCAGCTCCATAGGTAAGATAC
TGTTGAGAGTGGTGAATGGGAGATAAAAACACGGAAATCACCCGGATCATAAAGGCCGG

>trans_s_7865 AF389259|Nelumbo lutea 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATTTGCTTTCTGTGCACCAAAATTAGATATACTAACTTACTACCTTCCTTCAACCCCATCTCCTCAGCAGAAGA
ACATGGAGTTGCAAACAACTCCCCACCTGACAATGTCTTCCGCCCGGATCGGCCACCGA

>trans_s_7866 Novel Gene

CGGTTTGTGGGTAGTCTTTTGATTGCTATCATCCATCAATCTTGAGTTTAAATCAAAATCAATGTTAGGGAAA
TTAGTTGTTCTTTTGTGTTTGTGACGTTTTGAATTTGAATATGTATTATCATCATCGTTAT

>trans_s_7867 HQ323643|Plantago environmental sample isolate DGGE band 141 16.1.c 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCTAGACTCGTACAATCCTCGGGGATGATTTCCGTTGATTCATGTTGTGATCGTGGGTGATCACAGTTGGCGC
AGATTTTCATCATCGCAAGGTCTTAATGAAAACATCCTTGGCAAATGCTTTCGCAGTTGTTTCG

>trans_s_7868 AF496977|Heliomeris obscura internal transcribed spacer 2, complete sequence

ATTAGAACAAGACGGTCATGTAAAAAGAACAAAGCTTGAGTTGAGCGGTACAAATCGATCGGTTCTTGCATC
GGTACCTCACTCGATGGAAGCGTCGCGTCCCGTTGGCCCCTAAGACTCGACACCCAGAGGGGG

>trans_s_7869 CP000596|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 16, complete sequence

CTTGATTATTGAGAAAGTCAAAGGAGGTTATTCACTAGCCATCGCGGGTTTCATTACTTTTCTTCCATTCTGTCC
TCTCATAAGGCAAAGGATATCGAATGATCGATTGAGCATTGAGAGCATTACCCCCAAAAGA

>trans_s_7870 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGCCACCATTATGGTAGGGTCTCTTAGGGAAGATTTACT
AGCCCGCCCATTCGAAGTAGGAAGTTGGGCCATTGGCTTTTTATCCCCGGCTATCAGTTAA

>trans_s_7871 XM_002877589|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AtClpC, mRNA

CGTGGAGGTGGAGAAGATAATTGGTAGGGGCACTGGCTTCGTTGCTGTAGAAATTCCATTCCTCCTCGTGC
AAAGCGTGTTTTGGAACCTTCTCTCGAGGAAGCTCGCCAGTCGAGCCACTATATACGGTTGTCA

>trans_s_7872 GU809232|Corchorus trilocularis xyloglucan endotransglycosylase/hydrolase (XTH1) gene, complete cds

AGAAGGAATCGGATCCATTTGAAAACATATTGCAAGGACAACCCAGAGACCGAGTCCGTGATACAAGCACTG
TTGACTCATTACAAATGTATAAATAAAGTCGTTTATCAGATTTAAGCATATCATATTCGCCTCT

>trans_s_7873 GQ998743|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit K protein (ndhK) gene, complete cds; chloroplast

AATACTGGAAATTACGATCAAGGATTACTCTATCAACCATCATCTACTTCAGAGATCATCCCTCCTGAACTTTT
TTCAAATACAAAAGTGCACTCTCTCCTACGAGCCGACGGCGGCTATTACGCGTCGCCCCG

>trans_s_7874 EU930861|Juglans cinerea marker CAPS10 genomic sequence; plastid

GGCGGAGCAGGCAGAGTCCTGGCCGCTATGCTATATCTATAAGAGAACGTAAAAATGTATTTGAATATCTTGA
GTTGTGCAAGTGAAGATTATTTTCGTATTATTTAATGAGCATCTTGATTTTCATAAAAGCTGG

>trans_s_7875 EU017103|Passiflora biflora 16S ribosomal RNA (rrn16) gene, partial sequence; chloroplast

GGTGCCTTCGGGAACGCGGACACAGGTGGTGCATGGCTGTCACTGATCTACATTGTAGACGAAGCACACAGT
CCTGCCCCGTGCTCAGCGCCAGAATAGGCGGCGAGTCGTAAGCCAAGGCAGACCCCTTTTTTTATG

>trans_s_7876 AY940732|Cuscuta japonica var. formosana F1-ATPase alpha subunit (atp1) gene, partial cds

GGAATAATAGTCCTATAGCGCCACATTGGCCCAAGTTTTAACTACCGCAGACTTGTTTCATAGCTTTCAACTG
AGCGGCAGACCCGACACGACTGACGGATAAGCCGACGTTAATAGCAGGTCTAATTCCGCGAT

>trans_s_7877 DQ229111|Zinnia elegans microtubule-associated protein MAP65-2 mRNA, partial
cds

GGCCAGACTGTAAGTGATGTGCATCCGAGCTTAGAAAGAACGAGTATCGAACAAGCTACAAATATCAGCAAT
AGCACATTGGAAGGCCTAGAACACACCATTCTTACATTGAAAACAGAAAGGAAAACTCGAATCC

>trans_s_7878 GU066223|Rhizanthella gardneri rpl2 mRNA, partial cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGATATGCCCTTAGGCACGGCCATAC
ATAACATAGAAATCACACTTGGAAGGGGGGACAATTAGCTCATTGGGCCCCAAACCAACCA

>trans_s_7879 Novel Gene

AATTAGAATATTTAGTTACTGATTAACCATTTAATTCCACATGTTTGAAGAATAGTCAACGACTTAATTCAGGAT
GAAGAATAGTCAACAAATCTAAAGTTGCAAGTGGAGCACATGAAATTCACATATTATAATA

>trans_s_7880 EU808011|Vitis amurensis 2,3-bisphosphoglycerate-independent phosphoglycerate
mutase (PGM) mRNA, partial cds

GTAATTTGGCAAGATCATTTTCAAGAGTCTCTACAAAGCCTACACTGGAGCCATCCAAAACATCACGCCCCGTCT
GTAAGTATATGGACACGGATTCTTTTAGCACCACGCTCACTTGCTCCTTGAGTAACAACTT

>trans_s_7881 X15190|Pea chloroplast GAPA mRNA encoding glyceraldehyde-3-phosphate
dehydrogenase (GAPDH) subunit A (EC 1.2.1.13)

TCAACTGTCGACTCTTCCTTGACTATGGTTATGGGGGATGACTTGGTGAAGGTTATTGCTTGGTATGATAATGA
GTGGGGTTACTCTCAACGGGTTGTTGATTTGGCTGACGCCACACGGTTGGGTGTTGGGCCAG

>trans_s_7882 XM_002870362|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPAP26/PAP26, mRNA

CATTGTACCAGACAAATCAGCCCCTGTCTACATTACAGTTGGAGACGGTGGGAACCAGGAAGGTCTTGCTGG
AAGGTTTAAAGATCCACAACCAGAGTACTCAGCATTTAGAGAACCCAGCTATGGGCATTCAACC

>trans_s_7883 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

AAAGATCTTTTTGGACTTATCATACTTGTGCAAGCATATTTATTTTACAAATTATCACAAACACAAATTATTAA
TTTATCTAAGTTAAGACCTGTCTTTCAATATCACGGAACATCCCGTCCCCCGGCCGGCACG

>trans_s_7884 AY098974|Arabidopsis thaliana AT4g11570/F25E4_190 mRNA, complete cds

AAGAAGGATATAATAACAAGGGCTTCCTTAATTTCTTGTTCTAAGTTCATTGCCTTATTTTACTTATTCTCAC
ATACTACTTCCAATGGATCCTACTATCATGTCCCATATAAAGAGAAGCAACTTCCCTAAAA

>trans_s_7885 NM_111354|Arabidopsis thaliana pseudouridine synthase (AT3G04820) mRNA,
complete cds

TTATAAATACAAAAACAATTTCTTCTCAACATTTTCATTCATTCAATTCGCTTACGGATAAACAAGAAAACATGGCC
GGTAGATTCGCTATTGTTCTGGGTTTTGCTCTGTTTTATCTTCTCCGCTCCGAATAGT

>trans_s_7886 EF382356|Cucumis sativus stachyose synthase mRNA, complete cds

GAGTTCCAGTGCTGTCAGAAGTCCCAAACAATGTCTTTTTCAGTCCTTTCTTTCGATAAGCCAATCCTCTGATG
CACCACCTTCCTTTGCTCCAACGTGTGCATAGTCTGTCCTGTAAGGGCGGGAAAGACAACAC

>trans_s_7887 CP000581|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 1, complete sequence

ACAGAAAAGAATATTACATACCCGGAGAGATACTATGGAAATAGTTCCTATCGCACTGCTGGTGAATCAGAG
GGTTCGCGCAGCTCGGGAAGAATTGACCCTGAGATTGCTGCCTCAAGGACACTCAGCACTCCGA

>trans_s_7888 AF017158|Cucurbita maxima 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATTGCTTGGTGCAAGTCAGGGTCTTTCATTGCGGGCGTGGCTGTTTCTTGGACTCTGTTCTCTGAAGTAGGAC
AGCAAACGTTTCACTACACGCCTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGC

>trans_s_7889 GU171576|Ipomoea batatas microsatellite Stv_lpb_231 sequence

ACTCGTCTGCAGTCGTTTGCAGAGCAAAGACCCCATTCATCCTCATCCGTATTTGAGTATAGAAGAGAGGCATT
CTGAGCCGACTACTACGACTACATGCGCATCTAGTGCAGTGGCTTGAAGCAAGCTACCTTT

>trans_s_7890 NM_001056004|Oryza sativa Japonica Group Os03g0232600 (Os03g0232600)
mRNA, complete cds

GCCTTATTAGCCCGAAGGAGGTCTTCCTCACTCAAATGCCGGTTGCGGCAGGTGCCGAGAGAGGATAGGATA
ACGGAAGCCACATGGCAAAAAGCTGGGATACAATGATACGGCAAAAGTCATGTAGCCTCGGAG

>trans_s_7891 GQ998798|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ATP synthase CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

TCAAGTAGGCGACGGCATTGCTCGTATTTATGGTCTTGATGAAGTAATGGCAGGTGAATTAGTAGAATTTGAA
GAGGGTACTATAGGCATAGCTCTAAATTTAGAATCAAATAATGTTGGTGTGTATTTACCCA

>trans_s_7892 HM122676|Malus x domestica SCL domain class transcription factor (SCL13) mRNA,
complete cds

GCCTTGATATTGCACTCCCAGATCGTTCCAACCTCGCTCTAAGCCCTTCCAACAAGTAAGTCCCACTCTCTGG
GCTGGATCACCAAAGACGGAAACCATCTGCCCTAAACATCCATAAACAGTGTTGCCACG

>trans_s_7893 HM122683|Malus x domestica SCL domain class transcription factor (SCL9) mRNA,
complete cds

GATACGAGGATCTCAATCTTGATAGAGATGAACTGACTATTGTGACTTGATGTTCCGAATGAAAAACGTACC
CGACGAAACAGTAGTCGCTAACAGCCCGAGAGATAGGGTTCTAAAGTTGATCAGAGGGGAGT

>trans_s_7894 AY189106|Rhizidiosporum alpinum 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

TGCCTACATTGTTCCATCGACCAGAGGCTGTTACCTTGGAGACCTGATGCGGTTATGAGTACGACCGGGCGT
GAGAGGCACTCTTCAGTCACGGTTAATTCAGAAACACGGACCAATGTTGCTCATCATATCTC

>trans_s_7895 NM_001067349|Oryza sativa Japonica Group Os08g0109900 (Os08g0109900)
mRNA, complete cds

TGGGGAAACAAAGAAGAGGTGGACCCTGCAAATGTAAGAACAATCCAAGTGAAGTTAATGCTTTGCTTGAA
GCAGAAAGAATGGCCGAAGCTACAAAGCAGGCTATCAAACGCAAGATTGCTCAAGCTGCTTCT

>trans_s_7896 XM_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

GTTCCAATGATTATCTGCAATTGTACCATTATCCCAGTATCTCTTGGATCCTCAAAGTCAAGCTCAACAGCCTAG
GTTGCTGGCAACTTTGGCACTTGGTGATTTGTTCCAGAACTTCGAGAACGATCAAGCAC

>trans_s_7897 AY739090|Mitrastema yamamotoi voucher 4123 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

CCCGGGGGGGAGTATGGTCGCAAGGCTGAACTTAAAGGAATTGACGGAAGGGCACCACCAAAGGTACAGG
CCATTGTAACAGGAAAAGGTCCTTTGGAGAACCTTGCAGACCATCTTCGACCGAAGTGACCACC

>trans_s_7898 AY095445|Citrus reticulata photosystem II protein D1 (PSBA) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

CTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCCGGATGCGGGGTTCCTCAACTTAAA
TGGTTTCAATTTCAACCAATCTGTAGTTGATAGTCAAGGTCGTGTAATTAATACCTGGGCTGA

>trans_s_7899 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete
cds

CAAGCAGCCTTGAACATTCACACCGCTTTAACTCTCGAGGAGATCAAGAACGAACTGTTGATTTGGAGAAAA
TCCCCATTGAGAGGACACCCAGATGATCAGGGCACGTGGATTCTTGGGCCTGGAGACCTCC

>trans_s_7900 AB196770|Vigna unguiculata subsp. unguiculata VsNTPase2 mRNA for apyrase,
complete cds

AGTGATAATGATGTCAGTAACCTTTCATGGTTCACCTGGCTCTGGTTTTTCAGAATCAGTATGAGGGAACGTCCAC
TG TAGAGAAGTTGGATAATTTTCAATAGCTAATTTGTGTTCTCCACTCATTCAACTGAGT

>trans_s_7901 HM122655|Malus x domestica NAC domain class transcription factor (NAC13)
mRNA, complete cds

TCTTTTGTACCTGCAGATCTATCCATAGTAAAGACCAAGGATCCGGAGTGGTTTTTCTTTTGCCACAGGACA
GGAAGTATCCCAACGGCCACCGCTTGCCTCTTTAGCGGCAACGACCGATAACCTTCCGTTG

>trans_s_7902 EU600086|Pueraria montana var. lobata 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCCCTAAGTCCCGGACAAAAGAGCTTTACAACCCTAAGGCCTTCATCACTCACGCGGCATGGCTGGATCAGGC
TTGCGCCCATTGTCCAATATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTGTCTCAG

>trans_s_7903 GQ227682|Bruguiera gymnorhiza glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase
(GAPDH) mRNA, complete cds

CATGGACGCAAGGATTCCCCACTTGATGTCATTGCCATCAACGATACCGGAGGCGTCAAGCAAGCTTCTCACC
TCCTCAAATACGACTCCACCCTTGGCATCTTTGAAGCTGATGTGAAACCTGCCGGGCTACTT

>trans_s_7904 XM_002893038|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-5 chain (TUB5), mRNA
CCTGATAGAATGATGCTCACGTTCTCCGTTTTCCCATCTCCTAAAGTTTCTGATACTGTTGTTGAGCCTTACAAC
GCAACTCTCTCCGTTTCATCAATTGGTTGAAAACGCCGACGAGTGCGCAACGTCCAGCGGC

>trans_s_7905 GQ227992|Camellia sinensis RAV transcription factor mRNA, complete cds
CTCCATTTCTCCCGTCACCCATTACTCTTCCACTCATCGCCGTCGGCTACGGCGGAAGCAGAATCCCGTAACT
TCCATCTTCCCGTTTCAAAGGAGTTGTCCCTCAGCCCAACAATTAATGGGTGTAGACTCG

>trans_s_7906 AJ307662|Oryza sativa genomic DNA fragment, chromosome 2
GAGGGGTGCGCCAGGCCCAAGCAGTAGTGCAACGCAAGGGCGACGCTCGAAAGCCCCAATTTACCCCTATTG
GGATGGGCCCTCCCCCTAGAAAAATAAATTTAATATCATGTGGGCCGATGGGCGGAGTCCTTA

>trans_s_7907 X82230|T.kirilowii mRNA for trypsin inhibitor-I
GGAGATTATTCAACTAGTTTCTGACGGAGTGAATGAATACTCGGGTCATCCAGGTTGTCTAGAAATTCTTATGA
AGTGTAACCGACCGCGATTGTTTGGCAGGCTGCACTTGCAAGCGTCCACAGATACACAC

>trans_s_7908 AF393605|Pedinomonas minor small subunit ribosomal RNA (rrs) gene, complete
sequence; tRNA-Ile (trnI(gau)) and tRNA-Ala (trnA(ugc)) genes, complete sequence; and large
subunit ribosomal RNA (rrl) and 5S ribosomal RNA (rrf) genes, complete sequence; chloroplast genes
for chloroplast products

TGGGTAGCTACGTGTGGTAAGGATAAGTGCTGAAAGCATCTAAGCATGAAGCCCCCTCAAGATGAACTTC
CCATCACTTCGAGTGAGTAAGATCCCTCAGAGACGATGAGGTTGATAGGTCCGAGACAAGGAA

>trans_s_7909 EU379346|Solanum lycopersicum thiamine biosynthesis protein ThiC (thiC) gene,
complete cds, alternatively spliced

CATCCTCCCTTAGGCATCAGGGAAACACTGATTGAACAAGCTGAGCAGGGTGTAGATTATTTTACCATTTCATG
CTGGGGTCTTACTTCGATACATCCCTCTAACAGCAAAGGAGGCAGTGCCTCGGTGTAGTGCA

>trans_s_7910 NM_001058140|Oryza sativa Japonica Group Os03g0802900 (Os03g0802900)
mRNA, complete cds

TGGTGGAGGCGGAAGCGGCGGTGGAATGATGTAAATGGGGTTAGGGGACATTTTTGAAGCTCCCAAGTAGT
AGAGATTAGTTGAGGGAGAATAAATCTGATTAGCGCCACACGGCGCCGGCACCAAATGCGGGG

>trans_s_7911 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TTGTCAAAGAGTTGAACAATGAAAATAGATGGCGAGTGCCTAATCGAATTGATCGGGTCATGTGAAGGTGAG
GTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCACTTCCACTTGACA

>trans_s_7912 M88258|Arabidopsis thaliana

CGAGACCTGGGAGGGCAAGCCGATTGGGAGTCAGAGGATCCATAGTACCTGCAGACCCACGGACTGAATATT
CATCATTTTCGAAAGCGGGGGGAAGGGATCTCTTTTCTGCAACGGAACAAAAGAAGAGACTAA

>trans_s_7913 DQ267933|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D-alpha (PLDa1) mRNA, complete cds

AATCTGAACCTTCCAATCCAAGATGGTATGAATCTTTTACATTTACTGTGCCCATAAGGCATCAAATGTTATCT
TCACCGTGAAGGATGACAATCCCATTGGTGCAACTTTGATTGGGCGTGCGCGCACGTTGT

>trans_s_7914 AY968421|Seyrigia humbertii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACTCAAGAGAAGCGTCTCAGCGGCGGACCGGGCACAAGTCCCCTGGAAGGGGGCGCCCGAGAGGGTGAG
AGCCCCGTTGCGCTCGGACCCTGTGCGACCGCACTATATCACTGGTAGTGCGGTGGTGGGGGGTT

>trans_s_7915 Z68759|R.communis mRNA for amino acid carrier

GCCGGTCCAGCGGTTATGTTTTGTTTTCTTTGGTTACTTATTATACTCCGTTCTTCTCTCTGTTGTTACCGCT
CCGGCGACCCTGTTTCCGGCAAGAGAAATTATACTTATATGGAGGCTGTTACCCCCAAA

>trans_s_7916 GQ998865|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

AAAGGGAAGTGCGCAGCTTAGGTGGAAGGCGAGAGGAATTTTTTCCGGGGGGGCCCCAGCCATCAGTGAG
ATACCACTCTGGAAGAGCTAGAATTCTAACCTTGTCAGGACCTTGCCCGTTCCCTGTCAGA

>trans_s_7917 AF428333|Arabidopsis thaliana At1g35780/F14D7_9 mRNA, complete cds

TCCGTTTCCTTGCTTCGCACTTTCTCACATTATCAGAGGCTTTCTCGCTATACAAAGTCAGGGTTTCGACAGTGAA
TTTCTTCTCCATTCTATCATTTGTTTGACAGGGCTCCATTTTGAGCGAACCCCCAACTC

>trans_s_7918 NM_001125596|Arabidopsis thaliana CIP7 (COP1-INTERACTING PROTEIN 7);
transcription activator (CIP7) mRNA, complete cds

AGATCCGTCTTCAACGTGTTCTAGAGACTCGAAAGGCAGTGCTGCACAAGGAGCAAGCAATGGCTTATGCCC
GTGCTTTAGTTGCAGGATATGAGCTGGATCATATTGATGATCTTATATCTTTTGCTGATGCTT

>trans_s_7919 M86906|Pisum sativum chlorophyll a/b-binding protein (Cab9) gene, partial cds

ATATTTTCGAACGCCTCTCGTGTAACCCACCTGTGTCGGTTTCGAGCATCGGACACTCGAAAGTTGCATCATTCA
AGAAGTCTTGAAGGGGAATCCGAGTAATTCGTCATATGCTTTGATTTCACCTGTTTCAGCC

>trans_s_7920 Novel Gene

CCTCCCCGGAACCCGTCAGAACAAAAGTGTCACAACTAGAACTGAGTTCCAAGCAATCGAAAGTAAAGTGC
AACCCCCTCTAGAAAAGTACAAAATCTAATTGTAAAATGTTCTTTAGAGGGATGTGTAGCC

>trans_s_7921 NM_001053994|Oryza sativa Japonica Group Os02g0621300 (Os02g0621300)
mRNA, complete cds

CACACACCAACAATGGTATTGTAAACAGCAAGAAATACACTATGTGTTCTGCAAATGGATGTATCACAGAGGT
AATAGGCTCAGTAGCAATGGAGGAATGGTGGTGAGAATGGTGAAAGAGACGGGAGGGGGCAAC

>trans_s_7922 AJ344535|Nicotiana tabacum partial mRNA for cullin 1C (cul1C gene)

CGATAACATCCTTAAGAAAGGTGGGAGTGAGAAGTTGAGTGATGAAGCAATCGAAGAGACACTTGAGAAGG
TTGTGAAGTTGTTGGCATACATCTGCGACAAAGATCTGTTTGCTGAATTCTATAGAAAAAACT

>trans_s_7923 GQ274385|Eragrostis tef microsatellite CNLTs72 sequence

TCAGCTCGTAGCTGACTTCTTTGTGTGAATGGTCAGTAAGCTCACCTAAAACAATATTTATTAATGGTCCCAGT
GAACACAAACCATGCAGTTTTTCACTTGGGCTGTAAATACAAAATCCGCCCATCGGGGG

>trans_s_7924 NR_022701|Arabidopsis thaliana (U4.2) ncRNA

CTCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAACAACGGTCGAAGTGAGGTACTAACCGAGGCGCGTCTATTGCTG
GTTGAAAACATTTTCAAACCCCTCTTCCGGACCCGAGGGTTTTTTTTTCTATTTTACA

>trans_s_7925 HM450765|Ewartiothamnus sinclairii isolate rds435g12 A40 locus genomic
sequence

GATGAAGAGGATGACGATGACCGAAAGCAGCGACACTAACCCCACTGGTGTTTTTCATATCAATCATAATGCG
AGTAATCATTTACATTGGTGTTTTGTAGTTCAGCAGATCATAAAGGACAAAAAGCCCCAGGTG

>trans_s_7926 NM_126764|Arabidopsis thaliana ribosomal protein S4 (RPS4) (AT2G07734) mRNA,
complete cds

GAGGGATGAAAGAAGATATGCCTTGCCTGCATTAAGATTTCAAACCTGTCGTCTACTTTTAGGAAATGTTTGG
AAGAGAGAACTGACAATAATACAACGCCGATTCTCCGAAAATTGAGAAACAAGAAGAGATC

>trans_s_7927 AF136010|Solanum chacoense SPP30 (SPP30) mRNA, complete cds

TGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCCAAGATGAGTGCTCTCCTAAGCTGTGGGATGTCATCCTCGAA
AGACCTCTCAGCAAGGGAAAACAGGAGGTGAGCTTGAGTGCTTTTGCATTCTTGTTCTCCGA

>trans_s_7928 X57163|T.aestivum nad4 mRNA for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

TTAGCCCTTTTCCATAAATTCTCCGATCTAAATGGCAGAGAAGTTTTTCATATTTATACCTTTTCTTGTTGGAGTT
GTTTGGATGGGTGTTTACCCCAAAGTGTTCTGGACTGTGCATGCGTGCTTACGGACGGT

>trans_s_7929 NM_001055615|Oryza sativa Japonica Group Os03g0167200 (Os03g0167200)
mRNA, complete cds

AGAGCAGCGTCACCTCCCGCTCTTGTCGGTGGAAGGATAACAGGTCGTTGAGGTGTGGCCCGTCAAATACTCT
GTGGGTAGTTCTCAGCCCAACAACCACTTTTTTGGTTCAACCTGGTCACCTGCTTTTTTATA

>trans_s_7930 NM_129085|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding (AT2G35330)
mRNA, complete cds

ACTGGGTAAATCTGACAATTCATTCTCTCACACCGATGCACCTCATTACTCAACTCTATGGATAATTAGATATAA
CAGAAATTCACAGCTACATGGAGAACGGGAGAGAAATTCTAACTGTGAATTGCGGCAAGT

>trans_s_7931 XM_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAGCATTAGCTAGTTTGTATGGTAATGCCATACTTGCTGTCAAACCTGCAAATTCTGATGCAAAACGTTTACTA
GTTGGTTTGATCACAATGGCGACCAATGAAGTTCAGGAAGAGCTGTCGGAGGCCCTTCTTT

>trans_s_7932 NM_126605|Arabidopsis thaliana subtilase family protein (AT2G05920) mRNA, complete cds

AGATACTGTTTACAATCTTCATACCACTCGTACTCCGGGATTCCTTGGTCTCGACTCTGATTTGCGGTTATGGG
AAGGTCATACCACTCAGGATCTTAACCAAGCTTCTCACTCTGTCTAGTAACCACACTGAGA

>trans_s_7933 AP009376|Nasturtium officinale chloroplast DNA, complete sequence

AATAATTGAATTGCGGGACCTTTAAATTTATTTTTTATGATATTTTAACTTTCGAGCATATATTAACATATA
TCTTTTCGGTCATTTTATAACAGTAATGTTAAGTCAATTATTGGAATAATTAGTTACT

>trans_s_7934 XM_002871548|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl hydrolase family 38 protein, mRNA

ACCTGGTTGATCCTGCCAAGTGAACCAGCCTGTTGCAGGAAATTACTATCCAATAAATCTTGGGATCTATACAC
AAGACAATGAGAAAGAATTTTCAGTTTTGGTGGATCGTGCTGTTGGGGGTCCAGGGATCC

>trans_s_7935 FJ434444|Bauhinia sp. PS-2009 retrotransposon Ty1/copia-like, partial sequence

GATCATTCCAATCTTTTATTATATATGCAAATAAACTCCTTTTAGCCAAGCATCGGGGAAAATTGCAAGCATT
AGGTACACATGTATTGCCACGGGATACATCTCATCTCCGATGTTCTATCATGTTTTCTTC

>trans_s_7936 AB248019|Anemone hupehensis chloroplast trnL, trnF genes for tRNA-Leu, tRNA-Phe, partial sequences, specimen_voucher: S4919 (Makino Herbarium, Tokyo Metropolitan Univ.)

GGTTTTTTGTCTTCGGGGTTCAGATGGAGGAGAACCCAAGTGAACAGCTTCTATGTAATTTCTAAGCT
TAACCCCTTATGACTTGAACAAGAAAAGAAAGCTACCAGCTGAACACCCAAATCCTTCTTCA

>trans_s_7937 DQ390546|Austrobaileya scandens ATP synthase alpha chain (atpA) gene, partial sequence; chloroplast

GGGTAATTAGCAGGTGGGACGTTAGGGCCGCTGAGCTGCAGATCCTACTCTGGAGACGGAAATACCCACATT
AATAGCAGGTCTGATTCCAGCATTGAATAGATCGGCAGATAAGAATATTTGTCCATCGGTAAT

>trans_s_7938 FJ870998|Gossypium hirsutum ATP synthase beta subunit 1 mRNA, complete cds

AGAGCCTATTGACGAGAAAGGCGACCTTAAGACCGACCACTATTTGCCTATTCACAGAGAAGCTCCAGCCTTT
GTTGAGCAAGCAACTGAGCAGCAAAATCTCGTAACTGGTATTAAGGTTGTTGACCTTCTTGA

>trans_s_7939 BT010562|Arabidopsis thaliana At3g54930 gene, complete cds

AAGACTCCAATTTCAAGAACATTTTCGAAGATTAAAGCTCCTTTGAAGATCCAAGCTTTCTTCCAAGACTCCAA
CTTCAAGAACCTGACGTGCTTCACTTCTCAAAGACCTATGCCTACGAACTATCTCTCTCT

>trans_s_7940 Novel Gene

GGCTACACATCCCTCTAACAAGAAAAACGAGAAAGGATCAGTCTGATCGCCTTCTTCATTGATTGCTTAA
GACATGAATTCAGAGATTTCTGAGTTGCACTCCTTTGAGAAGAGTTTCTTACCATAACCC

>trans_s_7941 NM_001063452|Oryza sativa Japonica Group Os06g0167000 (Os06g0167000) mRNA, complete cds

TACTAACGTGTATCGTGTCAACAATTCACAAGACATTTGAAGGAAATCTTACAACCAAACCCATCAATGGTGCCA
TCTTTATTTTCAACCCAAGGACTGGGCAACTAGGGGGTCCTTGGCGAATATGTCTGTGAGT

>trans_s_7942 XM_002864432|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TTGCATTGTTTCATCGAGATATGCGGCCAAACAACATTCTTATCACACATGATTTTGAACCACTAGTTGGAGATT
TTGGCCTTGCAAGGTGGCAGCCTGACGGAGATACCGGTGTTGAAACAAGAGTTATCGGAAC

>trans_s_7943 Novel Gene

AAGTTATCAACAGTTTCAGTAGAAGAGCTTTGACTAGGCATAGCCTGTGATTTAGAGTGCCTTCGAGCTAGTT
GTGCAAACTCATCAGAAGAGGAGTCATCCTCCACTATCTGGCTCCTTGCTACGGAAGCAGTC

>trans_s_7944 NM_001188387|Oryza sativa Japonica Group Os07g0649700 (Os07g0649700)
mRNA, complete cds

GGAGAACAAAACCTCTGCCCCTCCCTGCGAGTCACTTCAGACCCCCGCTTCCTTTCGTTGGAGGGACGGTACGG
TCGCTCCTGAGCCAGCTCCCCCTCGAGATGGTAGGGTCAATCTACAAGGCATCCTTAATCTT

>trans_s_7945 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

ATTGTCCGATTTGGTCCCTGGACCTGATAACCCCCAGTTGTGGAATGCTCTCGAAACCCATTCACCTTGAGTGAG
ACAGAGGAGAGTGGAATTCGTGTGTAGGGGTGAAATCCGGAGATCTACGAAGGAAGGGGG

>trans_s_7946 XM_002872617|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mutant TFIIF-alpha, mRNA

GAGCAATTGCAAGCACATGACATTGTGTTTGACCTGTGGCAAACTATGGCGGAGAACAAGGGCAAATGCTA
TGATTGTGGGGCTACTGTAACCTCGCTTATATTCTTATGTTACAAGCTCGTTCACGTTTCATC

>trans_s_7947 AB041352|Nicotiana tabacum cig3 mRNA, complete cds

AAGGGTCATACGGGGATGTCGATTCAAAAAATCGGGAGTATACTGCAGCTTCAAGTTACTATCTGCAAGCAG
CATCACTTTGGCCATCAAGTGGCAATCCTCATCATCAGCTTGCTATATTAGCTTCATACTCAG

>trans_s_7948 AL161516|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 28

GGTGGATGATCTACTGCCTTGAGGCTAGAGCGTGATTAACGGTTCAACAGGCCTTGGTCTGGCGGCGTGCTA
CCTATACCTCCAATGAATCGTTGTTTCATCAGAGCAATTTTGGGGTGTCCCCCACAACACAG

>trans_s_7949 L36857|Pisum sativum GTP-binding protein (IAP86) mRNA, complete cds

ATAACCAAACCAGAGATCTTAATGATCTGCTGTTGTTAAGATCAGTATCCAGCTCCCTTGGTTCTTCCATCTGG
AAAAATGCCATCATCACTCACTCATGCTGCCTCTGCTCCACTCACGAACTTGCTCAACC

>trans_s_7950 Z29103|L.esculentum mRNA for signal recognition particle 7S RNA (variant E)

AGCTTGTAACCCAAGTGGGGGGCACAGAGGTGGTTGAAGGTTGGTTTCGTTCCGCGTGTAGGGCTTTACTGA
GATGATTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCAGGGCATCCTGCTGTGCTTGGTT

>trans_s_7951 XM_002872021|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata polynucleotide adenyltransferase
family protein, mRNA

AAGTTCCATTAGTTCTTCTTAAGAGGTTTTGGGTTTTGTTTGATATCATGTAAGATTTCTTAGTGTTGTTTGT
TTTTTTCTTCCTATACTTATTTTTGTAAAGATAAAAGATCACCCTTTTTCTCATGAC

>trans_s_7952 NM_180763|Arabidopsis thaliana peptidase M50 family protein / sterol-regulatory
element binding protein (SREBP) site 2 protease family protein (AT5G35210) mRNA, complete cds

CCTTCGTCCAACTGAATGGAAACAGGAATAAGCGGACACTAAATGATCGAAGGAAACCATAGACAGATAAA
AGATGTGAAACGTGTTCCGGATGGATTCCAATGGTCCAGAAGATGGAGGAACTCTGGTGC

>trans_s_7953 NM_116702|Arabidopsis thaliana ATPC1; enzyme regulator (ATPC1) mRNA,
complete cds

TCAACTTCCTCACTAACAAGAGTGAAAAACATCATCAGCTATTGCTTGAGCTTCTTTAGCTGTGGGAAGAGT
ACCACCTTCAAGGAACTTATCGACTGGAATGTACGGTCGGCGAAGGAAATAAGAGTTACC

>trans_s_7954 AF479231|Dipsacus sativus 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CTTGAAAACCTTGCTTCGATATGAACTTTGAGTATTTAGAGATGCTTCGTTATTTCCCTCAGAGCACTGGGC
AGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTAATTAAACA

>trans_s_7955 Novel Gene

CTAAAAAGTCAATTCGATAATCTATCTTTCCTCTACAAAGGCAGTTGAGTATTTACAGCTCGTCATTTTGGAC
GTCTTTACGTTGCATTATTTGATTTATTCGGACCCGACCCGGGGTTTCGTTTTGTTTT

>trans_s_7956 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
3-5

CCCCGGTCGAGCATATTCTAACCTCTCCAATCCTCGATCAAACCTGCCTTCCCCAGGCGCTATTCAATGGGGGG
TCTTTCCTTCGCCTATCGTATGTATTGGCTTGGGCTTCGTGCAGAAGCAAGGGGGCATTC

>trans_s_7957 FJ477093|Hordeum vulgare cultivar Cepada capa Rym4 and MCT-1 genes, complete
cds

ACAGGGTCTCCCCTAGATTGTAGTTCTAACGCGTAGTCATTACATAACATCAAGATCTCATAAATACTACTTTA
GTGCACAATGAGCCGATTACGTGAAACGCCAAACAGGCAGTTTTTCCCCTTTGGGAATCC

>trans_s_7958 AL161509|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 21

GTCCCTTTCCTATTGGTTTGGCTGCCATTTCACTTTACTTAGAATACTTTAATAAATCTTCATCTTCTTAAATAAT
GTATATATCATCCTTTGTTTTGATTTCTGTATGTTCTTGAATTTTGTGTCCGGCCGTT

>trans_s_7959 NM_001187710|Oryza sativa Japonica Group Os06g0183800 (Os06g0183800)
mRNA, complete cds

ATTAAGCCGCCCTAACGGGCGTGCCTGGTTGGTCTTGGCTTCCCCGTTTGCCGGTGCTCCGAGGAGCCCTGTG
GGGTTTCCGCTGTCCGACCCCTAGTCCCCTAAGGGCGCGCCGATCAGCAGGCCGATAGGGT

>trans_s_7960 EF514213|Solanum tuberosum strain P6/210 contig r1, complete sequence

AGGACAACAACAAATGGAAGAGGCATGTGAAGGCTTATAAGAAGATCAATAAACTTATTGATACTGGAAGAT
ATCGTAATATTATGGATATGAATGCTGGTTTGGGAAGCTTTGCTGCAGCCCTTGGGCTCTCT

>trans_s_7961 AY042810|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F10B6.14) mRNA, complete cds

CTTCAATGAACAACACCCAACTACTTGTCTAACGATTTCACTGCTGCTTCGCTTTCCTATTCCTATTCCCACCA
ATTTTCTCACAACCCAGTTGCTCGTTGACATGAACGGATGTCAGTCCGGTGCTCCGC

>trans_s_7962 EU056917|Solanum tuberosum WRKY transcription factor 5 mRNA, complete cds

AGGCAGACAAGAAACCTGAGACTGATATTCCAAAAGAACCCGTTGAACTATCAAAGAAAGAAGCTCAGGCAA
CTGAGGTAGTTCCATTGGAAGAACTAATAGAGAGGGTTGCAAACCTCCCGAGGTCTTTGAGG

>trans_s_7963 EU930859|Juglans cinerea marker CAPS08 genomic sequence; plastid

GATCAACGAGACGTCCCTCTCCGATTCGGAGCGCTGTACTGTATCTGAGATGAATCTTGGCCATTCCCGCCTT
CAACTCCCCTAGACTAGACTTTTGGGTCTTATAAGGAACTAATTGAACTTTCAAATATG

>trans_s_7964 NM_111093|Arabidopsis thaliana BIG (BIG); binding / ubiquitin-protein ligase/ zinc
ion binding (BIG) mRNA, complete cds

GTGGAAGCGGTTTGTATGTAGAAATGCTAAAAGTGATTTGTCAGCTTTTGAGCTGGGTTTCATGGGTTACAGAA
CTTGTGCTATGTGCCTGTTCTCAGTCTATAAGATCGGAGATGTGTATGCTGATAAGTTTGA

>trans_s_7965 AF206628|Cucumis melo sec13-like protein mRNA, partial cds

CTTGGTCACCAAACCTAGGGCTTCAAAAATCCACCATTGCAAGTGGTTCTCAGGATGGTACAGTGATTATTTG
GTCAACAAAGGAAGGAGGGAAATGGGATGCTACACTGATGAATGATTTTAAGACTCCCATC

>trans_s_7966 AB437372|Salicornia europaea OEE3 mRNA for 16 kDa precursor protein of the
oxygen-evolving complex, complete cds

AATTTGGATTATGCAGCAAAGATTAAGAGCAGCTCAGAAGCAGAGAAGTATTATGCTCAGACTGTGTCAACTC
TCAACGATGTTCTCTCCAAGATTGGTTAGAAGTTTCTGTTAATTTGATGTAAACGGCAAAC

>trans_s_7967 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

ACTCATATTCCGGAAATACAGAAAAAATAAATTCCACGATCGAACTACCAAAAAATAGTGGATCAAACCTTG
AGAAAAACAGTAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCA

>trans_s_7968 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CTCTAATGGTAAGCGCTCTAATCTCTATGCTAGCAGGAGGTACGATAGAAACCCTAGCCTTCCAAGCTAACGA
TGCGGGTTCGATCCCGCTATCCGCTCCATCTTAAGGGAGGTTTCGATCCTGGCTCAGGATG

>trans_s_7969 U37840|Lycopersicon esculentum lipoyxygenase (loxD) mRNA, complete cds

TCCGCCATGAAACCTGGTGGCCGGAATTGAACAACTGCGACGATCTCATCTCCATTCTACCACGCTCATCTGG
CTCTCATCGGCACAACACGCAGCACTAACAGGATTAAGTGCGAACGCATTCTTAGCATGC

>trans_s_7970 Novel Gene

TCGGGCGTGTGGTCGACGCCTTGGGAGCACCCACCAGCGGGAAGAGGGGCTCTCAGCGATCACGAGCGAAG
ACGTGTGCGAAGTGAAAGCCCCTGGGATTATTGAACGTAAATCAGTGCACGAGCCTATGCAAAC

>trans_s_7971 Novel Gene

TGCTGTGATAGAGCTTTAGGAGGTGAAGATGAATCTGAGTCTTTTAATGGTAACTCTGACTCCTCTTTTTTCA
CCCTTTTCAAACTCTGTTTTAAGTCAAGATTCGTTTCTTGGGATGCAGCCCTCTGCGAC

>trans_s_7972 U79733|Beta procumbens nematode resistance (Hs1pro-1) mRNA, complete cds

CTTCAGATCGACGACGTTGGTGGAGATTACAAAGCAATGCAAGGATCTGAAGCACAAGGTGCCGTTGATCTT
GGATGTGGAAGTTGATCCAATGGGGGGACCAAGGATTCAAGAGGGCCGGATCTTTAACATGA

>trans_s_7973 Novel Gene

AATTATTATAGCGGGTTGGTCTAGTAATTCGAAATATGCCTTTCTAGGAGCATTACGATCTGCAGCTCAAATGG
TCTCTTATGAAGTCTCTATTGGTCTGATCTCCGCCGTCACGTCGGCGCACACGAACCTCC

>trans_s_7974 EU835514|Oryza sativa Indica Group cultivar KDML105 beta-mannosidase/beta-
glucosidase mRNA, partial cds

CGCTCACAATCTCCTTCTCTCCATTCTGCCGCCGTCAAACGTACAAGCAAAAAGTATCAGAAAAAGCAGAAG
GGGCAAATTGGAATCACAGTGGTGACTCACTGGTTTAGGCCAGACGAAACACACACTCTT

>trans_s_7975 AJ414385|Pisum sativum mitochondrion cox2 gene for cytochrome oxidase subunit
II

ATTTTTTTAGAGAGAGGGGGGAGTCCTACACGAACTCGTAAGTCAAGTACTAGACGAGCCTTGCTACGAAGC
AGAGCGCCCTCGTCTTGCTTTTGGCGAAGCTTAATAGGTCGAGCGGCGATACGGGGGTGTA

>trans_s_7976 NM_001051554|Oryza sativa Japonica Group Os01g0884700 (Os01g0884700)
mRNA, complete cds

TGAGGCGTGTCCAATTGTTGACCAGCTCTCCCTGCTGCCGGGATAAACCCATGGCCTGCAATGAGCCTTAG
TTGAGGATTCGTTCCACAACGGATGCAGATAAGATATTTATGGGCGACCACTCTCCCCGC

>trans_s_7977 AM260507|Platanus acerifolia partial mRNA for oligouridylate binding protein (ouBP
gene)

AAGATGGTAAAGAGTCTGTAAATAATGATGCTCCTGAGAACAACCTTCAATATACTACTGTATACGTTGGCAA
TCTTGCTCCAGAGGTTAGTCAACTTGATCTACATCGCCATTTTCATTCTCTTGGTGCTGGG

>trans_s_7978 FJ529181|Brassica napus elongation factor 1 alpha (EF1alpha.2) mRNA, complete
cds

ACTGGTCATCTTATCTACAAGCTTGGAGGAATTGACAAGCGTGTGATTGAGAGATTCGAGAAGGAAGCCGCT
GAGATGAACGGAGAAGTGCCTGGACGCATCCAAACATCTAGTGGGTCCGGAATAAGATACAG

>trans_s_7979 DQ629233|Sphagnum capillifolium large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

CGTACCACACCACCGGGTGGGAGCGCTGAAGTAATCCCCGAGCCCTATATAGCGCGAGCGCACACTCGAAAG
TGCTTCCTTCGTTGACAGTCGACCTTTCTGTGAGGAGGCACCCCTTCTCCCGAAGTTACGG

>trans_s_7980 Novel Gene

CGGCGTCGAACAGTCAACTCTCTGCTGCGATGATGATGAGTACAAATAATCTCGTTAGCTTAGCTCTCGCACA
GAAGCGGGCCCTCTGCTTGCCTGCCCACCCTCAGATCTTATCCCCCAAAAAGGGGAAAAG

>trans_s_7981 Novel Gene

TATTCAATTTTTTTTGATAGGCACGTCCAACCAATTCTAACTATACAAATAATTTTTTTTAACTATGTTTAATGG
ATACTTTTAGCTCATGATTCTCGGGCTAAAAAATTTGATACTAAGGAAAAAGAGAAGG

>trans_s_7982 AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

GAAGTCAAGTGCTGAAAGAACAAAACCTTTGGAGCAGAATGCTTCATGTAGCATTATTAGTTTCTACTATATTTG
CCTTTTTCTCATGACATTTGATAAACCTACCAAACCCGACAAAAACCCCCAAAAACCCCC

>trans_s_7983 DQ370443|Eucalyptus cinerea probable ATPase (ycf2) gene, partial cds; chloroplast

TGCTATGGGGTGCGCCACCCGCTTAAGGGGTCAAATCAATACGTTTGAAGAAGAAAGATTGGAATATCAATC
TCATCGATCTCATAAGTATCATACCAATCCCATCAATCGAATCGCTATCCGGCTTTAAAAT

>trans_s_7984 CP000596|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 16, complete sequence

TAAAAAACGAGGGTGTGATAACTTAACTTGC GCGCGATCCCAGTCGGTTCCTCCCGACGCCCTTTTTCTCT
CTCCACCTCGCTGCGTCGCGTGTCCGCCGTTCCGGGGCCATACTCTATCGGGACCTTA

>trans_s_7985 FJ970948|Coscinodon humilis voucher KL MW 14631 internal transcribed spacer 1,
partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2,
partial sequence

AAAAGGAAGATGAAGTTTCGGGAAATATCGGTTCTGGTTCTATGTTTGCTGGGTTTGTTCTTGGAGCGATCG
CAGATTCTCACACATGTCCTGCTGATCTAGGCGACAGGCATGACTGCCTCAAAAGTTGTCA

>trans_s_7986 Novel Gene

CATTAGGAATTTTACTCCTTAGAGAGAGTGATGGTTCGTCTTTTTTCTACTCAGTTCCTTTTTCTTCTGAAGCG
TCCTCAGTTCCTATTTGTCTTGTGAAGTGATTCCTATGTATCTCTATAAGCGGGTGTC

>trans_s_7987 NM_001161247|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing
protein (AT5G19090) mRNA, complete cds

GGGGAGGATATTATCAAGGAATGGGACAAGGGAATCCCTACACCAACAACAACAGTATATGGCTATGA
TGATGAACCAACAAAGGGGAGTTGGGAATGATATGTTCCAACCCATGATGTATTCTCGCCCA

>trans_s_7988 EU053919|Ranunculus ficaria ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase
large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

AAAATGTACCAGCAATAAGAAGGGCCTGAGAATCCAAAAGCAGTGAAATAAATACCGCGGCTTCGGTCTTTTT
CAATAAAATCATCACGTAGTAAATCAACAAATCCTAAAGTGATTTCTCTTCCCCTTCAAG

>trans_s_7989 AJ580822|Lotus corniculatus var. japonicus gene for coatomer alpha subunit-like protein

AGACTTCTTGAGACTAATCCCTCAATTGAGAATCAAGCTAAGACAGCCAGGCAAGTACTGCAGGCAGCAGAG
AGGAATATGACGGATGCCTCCCAACTGAACTATGACTTCAGAAACCCTTTGTGACCTATGT

>trans_s_7990 EU195704|Blumea fistulosa 5S ribosomal RNA gene, partial sequence; and 5S ribosomal RNA nontranscribed spacer region genomic sequence

GGAGATTGCACGGGGATTGCCCCGGGGTCTCCCCTCACTGTGGTCTGTTTTCTTCTTGCTCTCTTCTCTCGTGC
AACTTCAACCGACAGAATCACTTCTATGGTCATAGATGGGTCAAGTCGACCCAAATATC

>trans_s_7991 NR_022968|Arabidopsis thaliana (SNOR37-2) ncRNA

GTCAGGGCGAAAAATGATCTCAGATGTGCTGTGACGAGGCAATTTTTGTGGACTAGAGTTTCTGATCCGGGTA
CAATTCCTGGGATCTGATTATATACCCTTGGCTGTCTGAGCACTGGGCCGCACGCGCGCTA

>trans_s_7992 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

CAAAAACCTTTTTTCGAGAAAAAGGGCGGTGAAACGCCTTGTGATCTTCAACCAATTTGGGCTTCAATATAATT
ACCGGGAGTAAGCGCTATAGCTTGTTTCCAATACTCAGCGGCTTGATTGAACCAAGCCCC

>trans_s_7993 XM_002953103|Volvox carteri f. nagariensis NimA-related protein kinase 4 (cnk4), mRNA

CGGAGGCTTTTGTCTTCCGGTGAAAATTCGGCGGATCTTCGTCCACTGTCCAGTTTGGTTGGATCGGAAGGCT
CTGGAAGTGTCCGGAGCTGTGACGTTGACAGAGAAGCGATGTGGCTAAGAAGCCTCTCTTA

>trans_s_7994 NM_001060696|Oryza sativa Japonica Group Os04g0663100 (Os04g0663100) mRNA, complete cds

AGGCTGGTTCGCATCATGATAATCAAACATATAAATCTTCTCCAGAAGCTTCTCCAAGAAGTCATTTAACTGTT
CCAGAATCCCAAGGAACACCTTCTAGTCAGGTATCTGTAGGTTACCCCATTTGCCCCAG

>trans_s_7995 DQ176016|Crepis alpina delta-8 sphingolipid desaturase (SLD1) mRNA, complete cds

GGATATGGAGGTGGAGAAGAAGTACATTACCTCTGAGGAGCTTCTCAAGCACAACAAACCAGGAGATCTATG
GATCTCTATTCAGGGTAAGGTCTATAATGTACAGAATGGGCTAAAGTACATCCTGGTGGTG

>trans_s_7996 XM_002329191|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP714A3), mRNA

AGAGGCCCTATGAATTGAATGTAGAGAACTTTGAGATGTTTTTTTGGTCTGGCAGGGCCATTATACACATAC
TCGACAGGGACAAGACAGCATCTTTACGCCACATTCACCAGGTTTGTTAAGAGAGGGATAA

>trans_s_7997 NM_001062299|Oryza sativa Japonica Group Os05g0461900 (Os05g0461900) mRNA, complete cds

GCTGCCCTGAGTATCTACAGAAGCTAACCTACTTATGTTGGAACCATCACAAAGCCATCAGACATATTGACAC
GGTCCGAGCGTATACATTTGGATCACACTACTTTGTCTGACACTAACGCTACTTCGTTCTG

>trans_s_7998 CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

ATGGGCGATGGAGTAAATGCCAGTTTTATTGTTTGGTTTGTGTGGGATTTCAGAAAGACCTAATGTTGTTCC
TCACTTTAGATTTAAGAATGCTGTTTCATCTTTCAATTTATAGTGAAGTTATTGTTGATT

>trans_s_7999 NM_100323|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related
(AT1G04430) mRNA, complete cds

AGAACTTAAAAGTTCGATAAATGACGAGGGGAAGATCTGATGGGACACAGAAGAAGCGCTTAATCGCCACCA
TATGTGTTGTGGCAATATTTCTTGGGTTTCTGTATGCATACCGCGAGCGCGTATTCAATCCA

>trans_s_8000 XM_003077972|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot03g01080) mRNA,
complete cds

CTCGGGGGCATTTCGTATTTACCGCAATGATGAAATATGTGATACCCAGCTCATTATGAGACTTTCTAAAGGTC
AAGGACTGGACTAAATCCACATATTTATCTGAGCTCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTA

>trans_s_8001 HM596917|Cucumis melo subsp. melo internal transcribed spacer 1, partial
sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial
sequence

GGGGCGGGGGGAAGCATGCTCTTTGCCTGCCTCCTCCCCTTCCAACGCGTTTAAACAAAACCCCGGCGCAGGT
CGCGCCAAGGAACTTGAAATGAATTCGCTGTCCCCTGCCCCGAGAGTCAAATAGTGCTTGA

>trans_s_8002 EF421240|Thuja plicata NDH-B1 (ndhB1) gene, complete cds; chloroplast

GAAATTATAGAAGATCTCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGATAGCATCT
ACTATACTAGGAATATCAATGAACCCGATTATTGAAATTGCTCAGGATACCCTTTTTTAG

>trans_s_8003 U21744|Brassica napus elongation factor EF-1A mRNA, partial cds

CCAAGTACTACTGCACTGTTATTGATGCTCCTGGGCATCGTGATTTTCATCAAGAACATGATTACTGGAACCTCA
CAGGCTGACTGTGCTGTCCTCATTATTGACTCCACCACTGGTGGTTGTGAGTAGTTGCGG

>trans_s_8004 X15886|Gossypium hirsutum chloroplast rbcL gene for ribulose biphosphate
carboxylase oxygenase large subunit

CTCTAATGGTAAGCGCTCTAATCTCTATGCTAGCAGGAGGTACGATGTGTTGCGAGAATTCTTAATTCATGAGT
TGTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTGGATTCAAAGCT

>trans_s_8005 XM_002894191|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytosolic tRNA-Ala synthetase,
mRNA

ACCCGAGCTTGTAATACTCAGAAATGTATTCGTGCTGGTGGGAAACACAATGATCTTGATGACGTTGGAAAAG
ACACGTATCACCATACTTTCTTTGAGATGCTTGGAAATTGGTCATTTGGGGATTACTTCAA

>trans_s_8006 FJ817281|Micropholis cayennensis voucher NL110447 Ycf5 gene, partial cds;
chloroplast

ATGTCGCACGTAAGTGGTTACTCTAACCTCTCGCCCTTGATTATCACCCCTAACTACGTAAAGTCAATTTT
TGGACTTCATCGTTTTGCTTGTGTAAAAATAGTACTTGGCGCGGTTATTGCGCTTACAC

>trans_s_8007 EF207454|Pterostemon rotundifolius inverted repeat B, partial sequence;
chloroplast

CAAGGGAAGGGATATAACTCAGCGGTAGAGTGTGCGCTTGACGTGGCGGAAGTCATCAGTTCGAGCCTGATT
ATCCCTAAACCAATGTGAGTTTTTCTATTTTGACTTGTCCCCGCCACAGCGCTTAGAGA

>trans_s_8008 FJ594399|Glycine max acetohydroxyacid isomeroreductase mRNA, complete cds

GAGGCCAAGTCTGATATTGTGGTTAAGATTGGTCTGAGGAAGGGTCCCGCTCTTTGCAGAAGCTCGTGCA
TTGGTTTTCTGAAGAGAATGGAACCTTGGGTGATATATATGAACTATATCCGAAAGTGA

>trans_s_8009 AB270792|Malus x domestica MdSFBB9-alpha, S9-RNase, MdSFBB9-beta genes,
complete cds, Psi-SFBB9-alpha, Psi-SFBB9-beta pseudogenes

TGAATCAAAAAGGGGGAACCGAAATGGGGCTCATCAATTTAATTAGGGATCGGTCGTATGATGAAACAATTC
ATTGCATTGATCAAATCCAATATCAAAAACTATTTTACCTATGGAGCTGATAAAAACTCGG

>trans_s_8010 DQ460207|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP fragment HN_BT4M34-386 sequence

ATTAGCTAGCTCGAGCCATGAGCAGGTTGAAGAGAGCTCTAACAGGCCTTGGAGGACCGAGGTTTGTGTATG
TGGCAAAATACGGGGATGACTTGTGGCTAGGGGTGAAAGGGTTGGTTCTCTAAGCGCGAGA

>trans_s_8011 Novel Gene

TACCCAAAAAAGGAAAGAAAAAACTCTAATGATTTTAAATCTAACTATACACTTACTGTCAATTTCTTGG
TGTATATATTGGCTCATGACGGAAAATCAACAAGGAAACGCCGGAAGTAATCAAGATCGT

>trans_s_8012 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

GTAAGAAGCTCTTGGGAAGATCAAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCAATAATTCCG
AATTTAACCTTTTAAAAAGAGCACGTACACCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCC

>trans_s_8013 GQ998381|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 7 protein (ndhH) gene, complete cds; chloroplast

AGGGGGACCTTATGAAAATTTAGAAATACGATCTTTTGATCGAGCAAGGTCTCCGGAATGGAATGACTTTGAC
TATCGATTCATTAGTAAAAAACCTTCGCCAACTTTTGAATTGGCCTTTTGGTTTGAAAATG

>trans_s_8014 NM_001057866|Oryza sativa Japonica Group Os03g0758300 (Os03g0758300)
mRNA, complete cds

AGAGGGCTTAGAGATAGTAGCCACGCGCGTGTCTCCGGTATTTGAAGTCCAAGAAAGGCTTCTTTTTTG
ACCTCTTTGTTATTCTTCTTTCTCAGGTCAGGTTATCAACGGAAATCTTTGAGGCTTC

>trans_s_8015 AB154357|Hordeum bulbosum GBSSI gene for granule bound starch synthase I,
complete cds

GAAGATGGGAGGATGTTCCCTTCGCTTCGAATGCTTGTAGAGCCCATGATTTCTACGCGCTTCTGCTACCATTT
CCATCTCTCTATCTCTCTCTTTCTCTATCTCTTTCTTCTCTATCATTAACATTATCGCCG

>trans_s_8016 EF502619|Arabidopsis lyrata subsp. petraea isolate 24 At4g22720-like protein gene,
partial cds

ACTTGGTTTCTGCATAGCCTTTTGAATAACCAGAAGGTGCTAAAATAAAAAGGTGTGGCAAACCAAGTCTGTT
TCCGAATATAGTTAACTAGCCTAATATTATAATAAGGCGATATCTTACTACGCAGTTTCT

>trans_s_8017 X04465|Marchantia polymorpha chloroplast genome DNA

GCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGAGACTCAAATCTCGTGCTACCTCTATGTTCTTCCTAGGCGTAGA
GGAACCACACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACACA

>trans_s_8018 FJ117547|Pinus taeda isolate 4025 anonymous locus UMN_6842_02 genomic
sequence

TTGCCTAGAAGCAGCCACCCTTGTGGAGACATACGGCGTTGAGAGAGAGTATCTACAGCGCAGTGACTTTGG
AGTGACTCCCTTAATAAGAATCCACAGCAGCCCAAACAACAGACCTCACAGCTTGAGACGC

>trans_s_8019 EU385287|Osteospermum asperulum NADH dehydrogenase subunit D (ndhD) gene,
partial cds; chloroplast

TAAGTAAATGAGATGGTATACTATATGTATCTGTGTACTCGAGCTGCTTCTAACAACCTATGCGTTTTGTTATCA
TTTCGAATTAGACGATCCATTAATCCAATTGATGGAGGATTCTTTACCTAGGGAAAA

>trans_s_8020 Novel Gene

CCAAATCGAATCTCCGCCCTCGAGATTATAAGCTACCACGGACCGGTGAGAAGAATGATCTTTGAATGATCGG
CGAAAGGACTGAATTAGAATCAAAGAAGGAGCGAAGCAGAATCAAGCTACGAAGGCCCGA

>trans_s_8021 AY104263|Zea mays PCO104685 mRNA sequence

GGTCAAGCTGGAATTCAGGTCGGTAATTCTTGCTGGGAGCTTTACTGCCTCGAACATGGCATTAGCCCCGATG
GTTTGATGCCCAGTGACACATCGGTTGGTGTTCACACAGCATCCCTGGTGTACCCCCAC

>trans_s_8022 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTCTCTCAGACAAATGCCTCGTTTTGTCATCAAGGGTGAATGGATTAGAGATCAGACTCGACGAGCACTGGGC
AGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTAATTAAACA

>trans_s_8023 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

CGTATACGGAGGTTCAATTTCAAAGAAAAGGTGGTGATCAAGAAACCCGACGATTACCCCGTACGCTGAGGA
GCAAAAGGAGGAATCCGCCCGAGGAGGGGCTCGCGGAGAGAGCGGCTGAGTGGACTAAAGC

>trans_s_8024 GU980966|Lotus japonicus CIP73 protein (CIP73) mRNA, complete cds

CTTTGCCCAATCGGCCAGAGACTGATCCAAATTCAAGTACAAGTCGTGTTTCATAGCAATCGGGTGGCTCCGGG
TGTGGTGATTGAACTTTTAGTATGCCTGTTCAAGGGGACCCACACGGGGGTCCCCGACC

>trans_s_8025 EF057231|Panicum virgatum microsatellite PVSSR103 sequence

GCAGCGGGATCTCATCTTGCCCTGTGGACCGGCGTTACGTTATGCTTCTGGTCTGCAACTGTGTAGTGTGTA
GTGTGTAGTGTGTAGTTGTAGACGCCGAGACCGCTGTTGAAGCGGGTGGAGGCGTAAAAAG

>trans_s_8026 DQ629344|Ceratophyllum demersum large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

AAAATGCACCCACTTTGTTGGCGTTTGCCTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAACTGCTCG
CGCAGTTGCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCAC

>trans_s_8027 Novel Gene

CCTGACATTTCTCAATTTCTTTTTGGTCACTGATGAAAATCGAGTGAATTTGCTTTTATCGTGAATGAGAGAA
TCAAAGCCCTCTCCTTTCAGTCGAGCCCTTGGGACGCGATCATTCTTGAGCCTCAGA

>trans_s_8028 Novel Gene

AAGATATGCGGACTCGTGGGGTCTTGCCTCCTCCTTCCCTTGACCTATGCCATGATGCTCATGGGCAGCTTA
TCTCTAATTGGATTTCTTTTCTAACTGGATTTTATTCCAAGAGCATAATCTTAGAGCT

>trans_s_8029 AJ277281|Chlamydomonas reinhardtii mRNA for chloroplast NADP-malate
dehydrogenase (NADP-mdh gene)

CGGGTTCCCTCTTTTATTGTATTATATCTTATTTACGGAATAAGTAAATACATAATACCACTCCTATTAGATA
CAGTCGTTTCGCTTCTCCCTCTCCTTACAGTCGAGTTTATTCATAACCTCCGGACGA

>trans_s_8030 EU002219|Datisca cannabina NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 5 (ndhF)
gene, partial cds; chloroplast

GAAAATTGGTATGAATTTCTAAAAATGCAACTTTTTCTGTGACTATAGCTTATTTGGAATATTTATAGCGTCT
TTCTTCTATAAGCCCACTTATTCATCTTTACAAATAAAATTAAGCATATTCATGGT

>trans_s_8031 EU379346|Solanum lycopersicum thiamine biosynthesis protein ThiC (thiC) gene,
complete cds, alternatively spliced

TGGGAAATTTTCAGGGAAACACTGATTGAACAAGCTGAGCAGGGTGTAGATTATTTTACCATTCATGCTGGGG
TCTTACTTCGATACATCCCTCTAACAGCACCTTCTTACTGTCCTTAACATAGTGTGTTCT

>trans_s_8032 BT008494|Arabidopsis thaliana At1g11650 gene, complete cds

ATTCTAATGTCACTGATGAGCACTTGAGACAAGTATTCAGTCAGTATGGAGAGCTGGTGCATGTTAAGATTCC
TGCAGGCAAGCGATGTGGCTTTGTTCAATTTTCAGACAGAAGCTGCGCCGAGGAAGCTTT

>trans_s_8033 X56321|S. tuberosum U2-22 gene for U2 snRNA

TAGATTTGGGGTGC GGATGCTTTGCCTTTCTCGGCCTTTGGCTAAGATCAAGTGTAGTATCTGTTCTTATCAG
TTAATATCTGATCATGTCCGGTCTAATCTGTGCAGCGCCGGCTTAATCCCCTCCAAAA

>trans_s_8034 GQ267546|Oryza sativa Indica Group cultivar Swarna ATP-dependent RNA helicase
DB10 mRNA, complete cds

CACCTCCTTTACAATCTTTCTAATCTGGGGTTCGAAACCCATGTCCAGCATGCGATCTGCCTCATCTAGTACAAG
ATAAGAAACCTGATGCAGACTGATTCTCCTCATCTCAAGAATATCATTCAAACGACCA

>trans_s_8035 XM_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family
protein, mRNA

TGACGCTGATCTTTTGTGCGGTCGCCCATTGGACTTTATAAACTTCTTCTTCAATAGAACTTGCTACAGCGGAG
TTTCCAATATTTGCATTTACTTTGACCAAGAGTTTCAGCCTTGCGACCATACTCCCCC

>trans_s_8036 GQ997525|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333 RNA
polymerase beta' subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CCTAACCACTAGTTGAACCGGAGAGAAACAAAATTCATACCGGTGTCATATAATTACTTAGCTGAGTGAGATA
CCAGAGGATTAGGTACCATATGAGCAGGCCCGGCAAAATCCTTGATAGCCTTTTCGATT

>trans_s_8037 NM_001054196|Oryza sativa Japonica Group Os02g0664300 (Os02g0664300)
mRNA, complete cds

AGTGACATCAGATGGAAAGCCTAAGATATTGGATATTCTTGATTGTACGGGGAGTGGCGATGTTGATACCTCG
AAGTGGTGAAGGCTGATGAAGATGGTTGCATTATTGGAGCTTCAGGGGCTTCTTTGGTT

>trans_s_8038 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

TAATAGCTTGCCATGTCCTTTGCAATATGCCTTATTTGTCGAGTGCATCTTCCTGCTGCAGTGAGACTGATTA
CAATGGTGCTGTGGATTCTGGTGCTGGTGATGCCGAGTGGCAAGTCCGCCACCGCACC

>trans_s_8039 GQ998704|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 RNA polymerase beta
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

CAGGAGATTCTCTTTCTCTTAGATTCTGAACCCATAGCTGATAATAGAACTAGAATAGATATTTTCTGTTTCCTAC
TCACACGAGCCCATATCCTTGCTTTTCGATCAATCTCTAATCCGTCTCAATCCGCATC

>trans_s_8040 U21139|Pisum sativum chaperonin precursor mRNA, chloroplast gene encoding
chloroplast protein, complete cds

AAAGAGGTTGAATTGGAGGATCCAGTTGAGAACATTGGCGCTAAGCTAGTCAGACAAGCTGCTGCAAAGACC
AACGACTTAGCTGGTGATGGAACACAACCTTCAGTTGTTCTGGCTCAGGGTCTTATTGCTG

>trans_s_8041 NM_100014|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein
(AT1G01320) mRNA, complete cds

TAACGCAATATCCTCGAGACGAAAAGCATTCTCAGAACGCAACAAGTTTGAAATCTTCCTTACGGGTTTAGA
GCCAATACATGGCTTGTTCTCCTGTGTCAGCACAATCGCTCTCAGTTTTCCCTCCTCTT

>trans_s_8042 NR_022701|Arabidopsis thaliana (U4.2) ncRNA

CGGGGGGGTTTCTAACTTAAGGGAAGGGGGTTTGGAAATAGTTTTCAACCAGCAATAGACGCGCCTCGGTT
AGTACCTCACTAGCTGCGTCATTGCCCCAAGCGCATTCTCTCCGAGGCTTAGGCTCTTT

>trans_s_8043 FJ197982|Glycine max retrotransposon gmw1-58k3-re-1, complete sequence

AAAAGAAAAGCAGGAGGAGCAGTGCCGAAAAAAACCGGCCACCCATACTCACAGTGAATGGGGAAACCCC
GCTGAACCTTATGATGGACAACCTGGATGAGCACATCATGCTTCCCTTCCAGACTTTTTGG

>trans_s_8044 CP000593|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 13, complete sequence

GTAGGGGGCCCCTGCAAACTGGCAATGATGAATCAAAGGCCGGACTTACAATCACAAGGTGGATGACGGT
AGTAGATTGACGATATGTCTGCAGTAAGGTGTTTTCTTGAGCCAGCCAAGGTTTAAACAG

>trans_s_8045 EU309470|Gossypium arboreum universal stress protein 1 mRNA, complete cds

CAACTTGGCCGACGGGGGTGACACTCTCTACATCATCTACGTTAACCCCAATTCCTCAACGAATCTGCCCATC
GCCTCTGGGCTGAATCCGGTTCTCCTTTGATTCCGTTTCAGAAGGCCTCCTCTCGGACTT

>trans_s_8046 AF525761|Fagus sylvatica chloroplast OA region, partial sequence

TTGTACATAAGTAAACATTCAAAATTGTACTTATTCCTTCTACCCATCGCGAAGGATGCCTCCTATATTCGAGT
AACTTTATTTAGTAAATAGCAGAATCATGCTATCCCTTGC GCGTATCCCTGGATGGA

>trans_s_8047 M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
1-2

ACACATCGAAATGGTACCAGCCGTACTTAATAATAGAAGTATTTGGCAGAAATATGTCAAATTGTCCCTCCTCA
AAAAATGATTCCAGAATAAATGGGCAATAGTTAGGAGAGGTGCGCCAGCGGCGAGCAGA

>trans_s_8048 AB061357|Oryza sativa GLU gene for ferredoxin-dependent glutamate synthase
precursor, complete cds

ATCGCTTGTTGCTTTATTCGAAGTATTGGATTAATGTTATCAAACCTCGTGTTTCACGGGGAGGACCTGTGAAC
TCAGTCCGATTTTGAATGTGTTTCTTGAATTATCATTTTTCTTGAACCAAATAAATTTT

>trans_s_8049 Novel Gene

GATGCGGATTGAGACGGGACATATGAATCTGTCCGGAGGACGGGTTAGTGTCCTTATCTAATGAGCACATTC
AAAGGCGAACTTTCAGTCGCTTCTCAAATTCTTGAGCCTCTCATTGATAAGGACATATTA

>trans_s_8050 AY104203|Zea mays PCO148677 mRNA sequence

CCATCAAGGTGGTCGTACCCAGCAGCTGCTAGCGTAATGAAAATTGTTCCAGAGAGCAAGATGCAAGAGGAA
GCAAAAGGTTTCGCTGGAGGTTTCGGGATGGATTGATAAAATGAGAGGAATCTGAACTTTTAG

>trans_s_8051 Novel Gene

CCTGACATTTCTCAATTTCTTTTTTGGTCACTGATGAAAATCGAGTGAATTTTGCTTTTATCGTGAATGAGAGAA
TCAAAGCCCTCTCCTTTCAGTCGAGCCCTTGGGACGCGATCATTCTTGAGCCTCAGA

>trans_s_8052 NM_100289|Arabidopsis thaliana PRP39; binding (PRP39) mRNA, complete cds

TGGAAATGTTGTTGAGAATGCCAACGAGGCTCCTGAAGAACAGCACTTTGTTGATGGTTCTGTACCTCCACTA
TCTGCTGAGGAAGATAGACTGTGGAACATTGTGAGGGCCAATTCTCTAGATTTTAATTCA

>trans_s_8053 AY127029|Arabidopsis thaliana AT3g13990/MDC16_11 mRNA, complete cds

CAGGCAACATCAACCAACCATGGGACATCAGAAAGCTTCCCAGCCTAACAAGGAGTGGAACCTAAGTCAAG
CCAGAAGTTGAGCACTGGTAATCCTGGAGTAATAGGAACACCCTCAAACCTAAAGCTCCT

>trans_s_8054 XM_002879972|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 50S ribosomal protein L3, mRNA

TGGGGCATCTTGAGAAAGCTGGAGCAATTCCAATGCGTCATTTGCAGGAGTTTCGCCTTGAGTCTGTTGATGG
ATTTGAGCCCAATCAGCGCCTCGTTTTCAATGAACTTTTCAAGGAGGGGGACCTGGTTGA

>trans_s_8055 Novel Gene

ACGACGATTCAACATCTAGCTGGATCGGTTTGGGTTGCTATCTTCTAGATTTTGGATTAACTGTTTGCTATGG
CTCTTATGGCAACGAGAGCGGCGTAGCTTTTAAGCGCAGCAGAGTTCCAGTTTAACATT

>trans_s_8056 NM_103052|Arabidopsis thaliana AT-GTL1 (GT2-LIKE 1); DNA binding / transcription
factor (AT-GTL1) mRNA, complete cds

TAAAAAACGAGGGTGTGATAACTTAAGAACATATATCGAACTGATTGGAAAAGAAATCATAAAGGGGGA
GAGAGAACAAGATAAGTATGATATGTGAATAATGGAATTTAACGCAGAAGCGATCATTCC

>trans_s_8057 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

AGTAGCTCGACTGTTATGGATTGTTTCGCAATGCTAAAACGATCAGACTGCGAAAAGAAAGAGGGGGGGGT
CTTCTCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGAGGCCACA

>trans_s_8058 GQ369509|Hevea brasiliensis plastid CUL1 (CUL1) mRNA, complete cds; nuclear
gene for plastid product

AGAGCATTCAGGATGCCATGCATTGCTTAGAGATGACAAGGTGGAAGATTTGTCAAGGATGTTCCGTCTCTTC
TCCAAAATACCGAAGGGATTGGACCCAGTTTCCAACATAAAATTCCAGCATGTAAGTCC

>trans_s_8059 NM_113713|Arabidopsis thaliana kinesin light chain-related (AT3G27960) mRNA,
complete cds

AGCCATGGAAGCGTTCATGTTGATTTCCCTGTTGATGGCTTGGTTGATACCTCTATTGAGAAGCTTTATGAGAA
TGTTTGTGATATGCAAAGTTCGGATCAGTCACCTCTGGAATACGATCCCCCTAGACTAA

>trans_s_8060 GU135211|Bischofia javanica voucher J.R. Abbott 24971 (FLAS) ribulose-1,5-
bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

TGCTGGAGAAGAAAATCAATATATTGCTTATGTAGCTTATCCCCTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACAT
ACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATCGTACTGT

>trans_s_8061 D37958|Malus x domestica atp9 gene for F0-ATPase subunit 9 (complete cds) and
nad5 gene for NADH dehydrogenase subunit 5 (exon a and b)

TTTACTTTTTCTAACATTTCTAGTACCAACTAATTCATTCGGGCGAGACATCGTCAGATCTCATGATGCGCCCAT
TCCTATGGCCATTCTTTAATACTTCTGGCTCTCGGGAGTCTCTTTGTAGGATACTTG

>trans_s_8062 EU227980|Oryza rufipogon isolate G11 expressed protein (Os04g42900) gene,
complete sequence

AATCTGAGATGTTGGTGCAGACGGTTGTCTGTTACAGGATTTGGTTATGCCGATTGATTCTTGGGCTTCTAGA
GCTAGTGCGACTGCCTTTAACGACCTCATTGTTCCGAATGATAACCTGGTTAAACTCTA

>trans_s_8063 AY103874|Zea mays PCO114884 mRNA sequence

GGATATGGATACATGTGGTGAAGGGACTTTCCTTTTCGGATCTTATGTATGTTACAAAGCGCATATACGCTA
ATGCTGTCTCAAACCTAACTAAACATTTGGAGCACGAAGTGAAGTAAACCACTGCATTGA

>trans_s_8064 EU852770|Ipomoea trifida isolate CL15-22 anthocyanidin synthase (ANS) gene,
partial cds

AGAGCAAGCCGCCCTATTCTATTACCAGACATAATTGGGAGAAGCTCATCCGAAACTCGAGCTAGAAAGGCCT
TATTTTGTTTCCTTCCCCTTATTCATTTCTTCTTTCATCCACTGCGATGATGATGA

>trans_s_8065 Novel Gene

GGAGTGCAAATCTTCATCCTTACTTCATTCAGTTGCGGGACTTGTTTATATCCATATGAACTTCCTTACTCTTCTT
TACTTTCATGAGTAGGAGGGCTATTATTGTATCGCAGGCACTTGGGCGCACCGGGAG

>trans_s_8066 AB333800|Brassica rapa subsp. chinensis BcGAPDH mRNA for glyceraldehyde-3-
phosphate dehydrogenase, complete cds

CAAACCTCTGCAGTGGGAAGCAATGGAGGATACAAGAAAGGGATCGTGGAAGCAAAGCTTAAGGTAGCCAT
CAATGGGTTTGGAAGGATTGGCAGGAATTTCTTGAGGTGCTGGCATGGACGAATCCCGAAAT

>trans_s_8067 NM_114464|Arabidopsis thaliana splicing factor-related (AT3G45950) mRNA,
complete cds

TCGTTGTTCTCGCACCAGTCTGAACATATGTAAAATTCATCTTCAAGAATTACTTCTTTATGTCAAAGTAGATTT
TCTCCCGTGTGTTGACTAGTGAGTTTCTGTTTTTCTGGACAGCTCTTATTCTCTCG

>trans_s_8068 GQ998757|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 photosystem II
protein D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

AAAATATTCTCTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGCTACCGCCGAGTTCTAGTCGGAGTACTTTTGAATATAAG
GGACTCTCTTGGAGCAAAATGTTCCCATAGAGGGCCGTTCCAGGGCTAGGGCTAGTTGA

>trans_s_8069 BT003114|Arabidopsis thaliana At3g10190 mRNA, complete cds

GAGAGACGTTTGAGTTTTTTGACGCCGATCAGGATGGGAGGATAACGGCAGAGGAGCTTCACGGGGTTTTTA
GATCAATCGGTGATGAGCAGTGACATTAGAGGATTGCCGGCGTATGCGCCTTTCGTGTTC

>trans_s_8070 XM_002865313|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata subtilase family protein, mRNA

AACTTAACCAAGTCGAGAGTAGTTCGACGAACCGTGACCAACATTGCTGGACCTGAGTTTTACAGTGTTGGTTG
GAGTGCTCCTTATGGGATTTCTTTGAAAGTTTCTCCAGTTCGATTACAATCAGCAGTGG

>trans_s_8071 NM_001058252|Oryza sativa Japonica Group Os03g0820100 (Os03g0820100)
mRNA, complete cds

ATGTGCTCCAGTCGAAGCTAGATAATATCTGTAGGAATGCAAATGTCATATTGGTCGTTGCACGCTCCTATGG
CCTCACTGGGCTTGTGAGAATCAGTTTGAAGGAGCATACTGTCATTGAATCAAGCCTGAT

>trans_s_8072 AF479086|Mirabilis jalapa 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GTGTACCCAATCAGCTAGGATTCCCACATTTTTTCGGGCTGTCTGCCGCGCGACAGCGCGAACTTCGAAAGG
GAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTTTATTAAGTCCGTTGGTAAGGGATTTTA

>trans_s_8073 NM_179666|Arabidopsis thaliana CLASP (CLIP-ASSOCIATED PROTEIN); binding
(CLASP) mRNA, complete cds

CGAGAAGAGTTCGCAAGAACTGTTACATCAGCCATTGGTTTATTTGCATCAACTGAGCTAACACTTCAGCGGG
CCGTGCTACCTTCGATTTTGAGATGTTGAATGATCCTTAGATAAAAGGTCGACGCGGGT

>trans_s_8074 AY105126|Zea mays PCO124988 mRNA sequence

CGGAAAGAAGAGCGGTCTAAGAGAAAATCTATTGAAGCTGATGGTAATAGTTGTAGCTGTGCCACTTCAGAA
GTTGAGATTCAACAAGATGAATCAAAGACGGATAACACAGTCACGTGACACACACCCTGTT

>trans_s_8075 AY753552|Vicia faba calcium-dependent protein kinase 1 (CPK1) mRNA, complete
cds

AGTCCCGAACCCGAAATTCACCACTACAACCTCCCAAACAACTATGAACAGCCCTTTACAAGTTTTCAATTCTT
ACGACCGCCAGTCCGATCTCGAAGCTTTCACAGTACCACGTTGTACTGTCCCTACCC

>trans_s_8076 Novel Gene

AGACTATTGTTGTATCTGATGGAAACAAGAATTTGGATGATGTGGTGAATGATGATGATGCCAGTCAAGT
GCAGGAAAGAACAATTGAGTTGTCGGGGAACCTCAAACCTCCCCGTTTGTGGGTGAAACAGG

>trans_s_8077 NM_001188382|Oryza sativa Japonica Group Os07g0645200 (Os07g0645200)
mRNA, complete cds

CAGCTGTATAGTCGGCTTGTCAAACAAATATCCCTCTCTTGTTCCTCTGATGGTTTCTGCTATTTCTGTTCCG
GGACCTGAAAAGGTTCTCCCTCTTTGAAGACTCATTTATTGAACTGAAGGGTGCGC

>trans_s_8078 Novel Gene

ACTGTCTCTTCTCCATTTCAACATCTTCTTATATCTTCATTCAGGTTTTGATCCTTTTCAAGCTCAAGAACAGAGG
ATAATAATGGACATCCTTATTTAGTCACTGCACCCCGGTTTAGGCGTGTGTGTGAG

>trans_s_8079 XM_002315532|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR914), mRNA

AAAGATAGCACCATCACAGACGAGGACATTGACAGAATCATTGCAAAGGGAGAAGCAGCAACAGCAGAGCT
TGATGCAAAGATGAAGAAATTTACTGAAGATGCCATTAAATTTAAATGGATGAAACTGCTG

>trans_s_8080 AY307062|Hyacinthus orientalis cultivar Delft Blue 20S proteasome subunit-like
mRNA, partial sequence

AATACCTTTTTGCTGGACTAGTTGATGGAAGGAACATTTGGGCCAATGATCTTGCTGCTTCAGTTAGCACATTG
GAGGAATTGGCTGCTGTTGTGGGTAAAGATAATCTTGTGTCTCCACCTCCTGCTCACT

>trans_s_8081 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GGAGTATCCTACTTTACGCAATTCACAGGGTTCAACAAGGAATCGATATTTACGATCAAGGGTGTAGTACT
ATTTGTAGTAGCGGTCCTTATATATCGTATTAACAATCGAATCTACCAGCTTGAGGGGGG

>trans_s_8082 AF195029|Glycine max plasma membrane Ca²⁺-ATPase (SCA2) mRNA, complete cds

TTTGAGCTCCCAGCCGGTGGCTTCGCGTGCACAGCAAAGGTGCCTCAGAGATTGTTTTAGCTTCATGTGAC
AAAGTTCTTGACTCCGACTTGTCTTACTCTTTCTCTGAGTCCTCTGAACGACCTCCCCAC

>trans_s_8083 AF387150|Geminella minor 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTTCTCTCTGTCTTACTCTCTTTTGGATTTCCCGGTAAATCGGGATAATTTGAAGGAACTAGCAAAACACAA
CTTGGAATTTTACATAGATCTGGAAAGTTGGGACTTTTTAATCTAAAGATTAACTA

>trans_s_8084 AB058643|Luffa cylindrica LcIMS1 mRNA for isomultiflorenol synthase, complete cds

AAATAAGTTATGAAAAGGCATCAAATGCAATGAGAAGAGGAGCACATTTCTAGCAGCCATACAAGCAAGTG
ATGGGCATTGGCCAAGTGAAACATCAGGCCCTCAATTTTACTTATGTCCTATGCTAGCCCA

>trans_s_8085 XM_001756522|Physcomitrella patens subsp. patens transcription elongation factor
SPT6 (GTB1501) mRNA, partial cds

AAGGGGCACTCGGATTGATAGAGAAGCCGATGAGGATTGTTCTATAAATCAACCTTAATGGCCGACTTAAAA
GGAAACTACAGTTTGTCTGACCGATAGACTCCGAAAGTTTTGCCCTACAGTGGGATTGT

>trans_s_8086 EU982507|Panicum virgatum strain 1186 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTGAGACGCGGCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTAGGGAATCTCCGCAATGGACGAAAGTCTGACGG
AGCAACGCCGCGTGAGTGATGAAGTTTTCGGATCGTAAACTCTGTTCTTAGGGAAGAACC

>trans_s_8087 DQ015759|Pachycladella umbrina strain SAG 10.85 26S ribosomal RNA gene, partial
sequence

CATTTTGCCGACTTCCCTTATCTACATTGTTCTATCAACTAGAGGCTGTTACCTTGGAGACCTGCTGCGGTTAT
GAGTACGACCTGGCGTGAAACTATTCCTTCCCGCGGATTTTCAAGGATCGTCGGGG

>trans_s_8088 EF091878|Solanum tuberosum ACRE 276-like protein mRNA, complete cds

TTAGGAAAGAGGAAAAACCTACTATATCTAGTAAAGGCAACAAAACCGTTTAACACCGCCACTGTGGGCTCAA
TATCGCCTTCATGATTGACAATCTGCTCCTCAAGAACTCAATTTCAAGCTCTACAACCTC

>trans_s_8089 HM439286|Solanum tuberosum polyubiquitin (Pat) gene, promoter region, 5' UTR
and partial cds

CAAATTTTCCTTCAAAGCCTGCTTTTCCCATTTTCGTCGTGCTTTTCTTCATCTAAAGATGCAAATATTCGTAAAA
ACTCTACTGGCAAAACAATCACCTCGAGGTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAAT

>trans_s_8090 EU308519|Heliosperma alpestre ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; acetyl-CoA carboxylase beta subunit (accD), PSI reaction centre subunit VIII (psal), ycf4 protein (ycf4), potential heme-binding protein (cemA), cytochrome f (petA), PSII reaction centre subunit X (psbJ), PSII reaction centre subunit XII (psbL), PSII reaction centre subunit VI (psbF), PSII reaction centre subunit V (psbE), cyt b6/f complex subunit VI (petL), and cyt b6/f complex subunit V (petG) genes, complete cds; tRNA-Trp (trnW) and tRNA-Pro (trnP) genes, complete sequence; PSI reaction centre subunit IX (psaJ), ribosomal protein L33 (rpl33), ribosomal protein S18 (rps18), and ribosomal protein L20 (rpl20) genes, complete cds; ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds; ATP-dependent protease proteolytic subunit (clpP) gene, complete cds; PSII 47kDa protein (psbB) gene, partial cds; and PSII T protein (psbT) and PSII 10kDa phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

TAGGTGGGGCGCGCAATAGTAATTAAGCGTTGCTGTTTTAAGGTCAATCTATTTACCCGTCTAGATAATATTTTTCCTTGTTCACTAATAAATCGACTAATTAACTCATGTTTCTATAATCAATTCGATAG

>trans_s_8091 NM_128609|Arabidopsis thaliana PSBW (PHOTOSYSTEM II REACTION CENTER W) (PSBW) mRNA, complete cds

GCACTGAAGGGACTGGCCTTCCATTTGGTTTGAGCAACAATCTTCTTGGTTGGATTCTGTTGGGAGTTTTTGGTCTCATTTGGGCATTTTACATTGTTTACACTTCTACTCTTGAGAGAAGCAGGAGGGAGA

>trans_s_8092 XM_002879117|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleic acid binding protein, mRNA

GCAACGGCGTTCAGGGAGTGTGTTGCCGCCACCAATGGATGATTACTGCAATATCAATTCTTCAAATGGAAAA CCCATTGTTAAGAACTCCACTGCCGAAGCTGCGGTGACAATCTCTGGAGGGCGGTTT

>trans_s_8093 NM_001051378|Oryza sativa Japonica Group Os01g0855700 (Os01g0855700) mRNA, complete cds

TACAAGAGATTGAAGATCTTCATCTTCTAATGGATCCGGATGATTTCTAAAGCTGAAGAATCAGCTAGCGATCAAATCACTTCAAGAATCAGAAGCGAAAACTCTGAGCTAGTCTGTGGTTCAGAGATTA

>trans_s_8094 AJ401355|Cuscuta platyloba chloroplast 16S rRNA gene

GACCCGTTGGACCCGACAACCCTAGGTTCTGTTGTCTAGGTCTCTGCATTCCTACTCACAGGGTGTGTGGCTGATCATCTCTCGGACCAGCTACTGATCATCGCCTTGGTAAGCTATTGCCTCACCAACTC

>trans_s_8095 NM_180334|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S20 (RPS20B) (AT3G47370) mRNA, complete cds

ACAAGGAAATCTCCCTGCGGTGAAGGTACCAACACATGGGACAGATTTGAACTTCGTGTTCAACAAGCGGGTTATTGACCTTTTACGCTCTCTGATGTAGTGAAGCAGAAAACCTCCATCAGGTATGAACAG

>trans_s_8096 Novel Gene

GGGGTATGCTGGGATTTGCGAAGAGCAGCACCTTACGATGTTTATGACCAATTGGATTTTGACGTACCAAGTAGGTACCAGAGGAGATTGCTATGATCGTTACTGTATTGCATAGCTTTCTCGGCGACCAAGT

>trans_s_8097 AY022629|Oryza sativa microsatellite MRG4954 containing (CAC)X11, closest to marker L417, genomic sequence

TCCCCTTTTCCCCAAAAAAGGCGGAGCTCAGAAACAAATGAATGGATGAGAAATTATCCTCACATAGAGATC
GGATTAACGAGATTATTTGTA CTATCATCATCGCAGCCATCCTCTTGTCCTCCCCCTT

>trans_s_8098 AY968438|Lagenaria breviflora ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds;
plastid

AAACAAACCTTACAACGTTACAAAGAACTGCAGGACATTATAGCTATCCTTGGGTGGACGAATTATCCGAAG
AGGATCGCTTAACCGTAGCACGAGCATCTTGGATTGAGCGTTTCTTATCACCCAACCCC

>trans_s_8099 AF479234|Thymelaea hirsuta 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTGAAAGTTCGCGCTGAG
CGTCTCAGAGACGGGTTTCCCCGTCTCTTAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCG

>trans_s_8100 NM_001068500|Oryza sativa Japonica Group Os08g0456600 (Os08g0456600)
mRNA, partial cds

CGAAGGAGCTTGCACTTGGCTTCCCTGTGCAGCAAGAGCTAAAGCAGGAGTAAAGTTGCGAAGAACA
GTCGTCTTAGACTTCTTGAATTTTATGATCCTGACTATGTCGCTCTTGACGTGGGCCAAA

>trans_s_8101 NM_001054418|Oryza sativa Japonica Group Os02g0708400 (Os02g0708400)
mRNA, complete cds

AACTTAGAACTTGTTATGTGTTTGCACGTCACAGCAGCAATATACTGCAGCTTAGGGCAGTACAGTGAGGCTA
TACCTCTATTGGAGCATTCCATTGAGATTCTGCCATCGAGGTACCTGGTTGATCCTGC

>trans_s_8102 NM_180259|Arabidopsis thaliana methyltransferase (AT3G15530) mRNA, complete
cds

GCGGCCGGGGCATTCTACTCAACGCCGTTGCCACTCAGCTCAAGAAGGAAGGAAGTTCAGGTCGAGTTGTGG
GGTAGATCGGAGCAAGCGGACTACTCTGGCGACGCTCATGCATATGATAGCTTTCTTTT

>trans_s_8103 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

AAATTATTCATTATCAGTGGTTTTAACCTTTTTATTTATCAACATATTTTTTTCTTCCATTTGAACTCATTTGATC
ATTCTTTTAGAGTAGGGTCGATTATACCGGGAATGTTAGATAATCATTATTTAGA

>trans_s_8104 AY925150|Angelica dahurica 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCGTCCCACTCAAGCCCGATCCAATCCTCTTTCAATCTCGATCCGAAGCCCGAAGGTCTCCTCCCCTCCTGCTT
GAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAA

>trans_s_8105 CT029973|Poplar cDNA sequences

CGCAGAGTGCTGAGTTCTTGGCTGCAAAGAAAACCATAGTGGTGAACAACATGGTGAACTGGTGGGGAAA
TCTACTTGCTGCAAGCTACGTGGAGTCCCTCTTCTCACTTTCTGGCCTCACAGAATCA

>trans_s_8106 XM_002893916|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1075, mRNA

GAGATTGAGAAGAATGAGTACTGGGGATATATTACGAATTGTGGTACGGAAGGCAATCTTCATGGGATTCTC
GTCGGGAGAGAAGTTTTGTCGGATGGGATTCTGTATGCTTCTCGGGAATCTCATTATTCC

>trans_s_8107 DQ924589|Cuscuta pulchella voucher Volk 756 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTACAATTATGGAATATGTCTCTTCTTGCTTTTGCTAGTCTCCAGAATGAATCCACAATAGAGGATCCTCCAGCC
TCTTTCAGAACAAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAA

>trans_s_8108 GQ229390|Arabidopsis thaliana extra-large GTP-binding protein 3 (XLG3) mRNA, complete cds

GGATCAAGCTCTTGAAACTGATGGAGAGAAGGAAGCTAGTGAAAGCATATATTCCATCAACCCAAGGTTGAA
ACATTTTTCCGATTGGCTCCTCGATATCATTGCCACTGGAGATTTGGACGCATTCTTCCC

>trans_s_8109 NM_125496|Arabidopsis thaliana GR-RBP3 (glycine-rich RNA-binding protein 3); ATP binding / RNA binding (GR-RBP3) mRNA, complete cds

CCATGAAGGTCCTGTCCATCCAATGCCTGGATGGCACTAGAGGCCTCCTCACTAGAGGTGTAAGTCACAAATC
CGAATCCTCTGGATCTTCCAGTTTCACGGTCTACGATGACCTAGCTTCGACTACTTCC

>trans_s_8110 NM_114732|Arabidopsis thaliana GSA2 (glutamate-1-semialdehyde 2,1-aminomutase 2); catalytic/ glutamate-1-semialdehyde 2,1-aminomutase/ pyridoxal phosphate bi>
(GSA2) mRNA, complete cds

CAACATTGGGCCTTCCTGATTCTCCTGGTGTCCCCAAAGCAGCTACCTCCGAAACTCTTACTGCACCCTTCAATG
ATTTATCAGCTGTAGAATCCATTTTCAATGCTAATAAAGGTTATTTTACTTATTCCG

>trans_s_8111 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

CTGTGTCTTTGTTTCTATTGCATTCTATCTCATCGTATCAAATTCTGTTCTGCGATATCATTGTGGGCACTTAACG
GCACTCAATCCGCATCGGTCCATGCCCCAAGTCGATTGGCGGACCGGCTCATCACC

>trans_s_8112 EU366147|Phyllostachys edulis chloroplast chlorophyll a/b binding protein precursor (lhca3) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GCCGTCATTGCCGAGGTTGTTCTTGTGTTGGTGGCGCTGAATATTACAGAATCATCAACGGCTTGAACCTTGAGG
ACAAGCTTCACCCGGGAGGGCCATTCGACCCATTGGGGTTAGCGGACGACCCGAGTTGA

>trans_s_8113 EU642650|Floydia praealta NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial cds; chloroplast

CTTTTCTTCATTCAACAATTGCAATTACTTTGCCTTGTATTCTTTTTTGATCTGTTTCATTACATTTATTGAACAAA
TACCTTCACAAATCATCATATTAGATTGTGCGCGCGCCGCGCGCGCCCCGCCA

>trans_s_8114 AC215397|Solanum lycopersicum Tomato chromosome 2, C02HBa0155C10, complete sequence

GTAGTCGTCTTTGTATAGTATGGATGATTGTTTGTGTTGTGATCTGAGGTGGGAGTTTGATGTGTTGAATCTG
TTGATCATCAGGTATTCGATGGACATGGAGGTCCTTGGATTGAGAAGGCGGGACGTTT

>trans_s_8115 AY104583|Zea mays PC0092504 mRNA sequence

CCAGTACGCCCATTGCATAGCAACCAGTCACTATCTCATCAAGCTTACTACTATGTAGCTATGAAATTCAAAGA
CCTTTATCAATCCATTACAGGTCGTAACTATTCTGTGTGGCAAGCTAGAGCAAGGGAT

>trans_s_8116 AY104920|Zea mays PCO100740 mRNA sequence

TTTGATCAGAAGATTGCCAGTAACTGAATCGGGAAAGTTTCAAGACGATTTCTTGATGGAATATAATGACACA
ATGTTGATTACGTATCTAGCAATGTCCACTAATTGCTCAAGTGTAAATGAATGAGCTAAT

>trans_s_8117 XM_002324035|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

TGGGGGAGTTGATGGTGGAGGCAGAGGAATTGAGCACACAGATGGATATTTTGATTGCTTTGAGGATAAAG
GTGGAGAAACCAGATGTTGCTTTTGAAGATGTTGATGAACAACAATTGAGTCACACTTCAA

>trans_s_8118 X13595|Bean DNA for glycine-rich cell wall protein GRP 1.0

CATCAGAAACTTCAAGTGTGGCTGATTTTCGTGGTAGAGATATTGGTGGAAAATCTTTTAACAATCCTCAGTAT
TATGACGGAGACAGTGATGATGGAGGAGAACCTTCCAGTCTCTGACTAACTGGGACA

>trans_s_8119 XM_002881301|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PTAC12, mRNA

TATGGGATCTCCATCTTATGGCCAAAATCCAGGAAGTAGGAGGAAGAAGAATAGAACACTAGCAGCTGCTGC
TCACGATTCATCCGAAGTGACTGAAGTACAATCGAGTGACCTAGTGATCTCTGACTCAGA

>trans_s_8120 CT029973|Poplar cDNA sequences

ATACTCACGACTCAGAGGTGGCTGCAAAGAAAACCATTAGTGGTGAACAACATGGTGAAACTGGTGGGGAAA
TCTACTTGCTGCAAGCTACGTGGAGTCCCTCTCTCCACTTTCTGGCCTCACAGAATCA

>trans_s_8121 AB525650|Jatropha curcas DNA, microsatellite marker JCT18

TTCTACTCTGGGCTCGGGAGTCTAAGAGTTTTATAAACGTTCTTGATGGCAAAAAATGTGAATGAAAGATCC
CAATGAATTGAATTGGTTCATGAATCTAAGAAATAATGAGAATTCTTGATCTCTCTTA

>trans_s_8122 FJ589741|Populus euphratica Na⁺/H⁺ exchanger 3 mRNA, complete cds

TTTGTTTTCACTAGAGGAACCACATAACAAGGCCTAGTGGCGCTGCGCTCACAGCAACTGATGTCCCCGGACT
ATCACTAACAAAGCTCCACTTTTCAATGTCCAATGCATCCATGCCGACGCGAGCGAAGC

>trans_s_8123 Novel Gene

AAGAAGTATTAATTTATGGCAATGACATATCCATCTAGAGCGGTGTGAAAGACCGATTACTAGATAATTCATG
GGTAGAGCCAAAGAGGGTGAAGTGTACAAGTTAACAATAACATTGTACTGGCGGGTTCC

>trans_s_8124 XM_002893178|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-glucosyl transferase 85A1
(UGT85A1), mRNA

GAGAAAGACATAACACCATCACTAACAATACTAATACTGGTGGCATATTACTGGAAGGAGAAGCTGCCATT
GAGTTCAGTTGTGAAATAAGATCACGAAAAGGGGCTAAGCAATTCTTGAAGGTGGATTCA

>trans_s_8125 EF213076|Elaeis guineensis cultivar Tenera calmodulin-like protein mRNA, partial
cds

AATGGAGATCAATAAGAGTGGTGCACAGTACGATCGTGTATTGAGTTACTTCGACGAAGATGGAGACGGGAA
GATATCGCCGTCGGAGCTGAGGAATCGGCTGGGATTGATAGGTGCTCTCGACTCGCAGGC

>trans_s_8126 GQ385964|Cucumis sativus cation exchanger 2 (CAX2) mRNA, complete cds

ATCGATATATGCGTTAAAGAGTGGGATGATTAGGGTTGTTCAACAGTCATTGCTGGGGTCAATCTTGTCAAAT
ATGCTCCTTGCTTGGTTGCGCTTTCTTCACTGGTGGGATTATTCATCATATCTTCCA

>trans_s_8127 NM_125154|Arabidopsis thaliana heat shock protein-related (AT5G57710) mRNA,
complete cds

TGGAGAATCAGAGATCAGTATTCGTGGTAGAACTGTGTTGGATAGATTATCAGAGGCCGTTAGAAGGAACCG
ATTTTCTGTCAATTGTGCTTGATGATTTTCGATGAATCCGATCTATTGGTCCGTGGAAGCAT

>trans_s_8128 NM_128583|Arabidopsis thaliana nodulin-related (AT2G30300) mRNA, complete
cds

CCGTTCTCTTATCTTCTTACACCTCTTCATGGCTCCAGCTCTCGCCAGAACTTTATCCACTCTTGCTCTTTCTTC
ACTCCCTCTATCAAACGGTGGTACTCGCTTGAGCTTGACAACTGCTTTTCTGCCT

>trans_s_8129 GQ998843|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ribosomal protein L2 (rpl2) gene, complete cds; chloroplast

GTTTACGACGAAACCTAGAAATCGATCACTGATCCACGGGTCTGCAAGAACAATTGCTCAAGACCACTCCCC
AGTCCTCTGCCATTACTACCTGTCGGTCTGGACTGCTGGAAGACGCGCCCCGGCGGTCA

>trans_s_8130 DQ395330|Cucumis sativus alkaline alpha galactosidase (AGA2) mRNA, complete
cds

CAGACACACCGTGACATCTCTGACAGTGTGTTGTGGCACATACAAGCAATGCATCCATTGTCAGAAAAGTTAC
GAGCAATCGAAGCTTCAAGAGCCTGATGGTAGCTACGAGTAAGTGTAACCCTGCCACCA

>trans_s_8131 GQ997942|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 NADH-
plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

TAGAACTCGATAAGAATCAGCCCCATTTAGGTAGTAAGTTGCTATAGAAATGAACAAGAACAAATAAGTTTTCT
GCTAATGTAATAAAGATACTAATTGTCATTCCAAAGACTTCATACACCGACTGTCCCTG

>trans_s_8132 EU982507|Panicum virgatum strain 1186 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTTGTTTTATGGGATTTGCTACACCTCGCGGCTTCGCTGCCCTTTGTACCATCCATTGTAGCACGTGTGTAGCC
CAGGTCATAAGGGGCATGATGATTTGACGTCATCCCCACCTTCCTCCGGGTATCCA

>trans_s_8133 EU580727|Citrullus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA,
complete cds

CTAAAATTCAACATGGCTCTAATTTTACTCCCTGTTTGTGCTAACACCATCACATGGCTTCGTAACAAAACCAAA
CTGGGCGTCATCGTACCTTTTCGATGACAATCTGAATTTCCATAAAGTTATAGCAGTT

>trans_s_8134 CP000592|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 12, complete sequence

ATTAATTAAGCATACGGGCACCTGTAGGGATTAGTGCGTGAGACCGCGATCCACAACTGACGCATGGGACT
GACCCCTTGACTTGGAATGAAGAGGGGAAAGATAGCATGTCACAAGAGCTCTTGGGTTCC

>trans_s_8135 FJ821453|Salsola kali Sal k 1 pollen allergen mRNA, partial cds

AAGGAATATTTGGCTTGGCCAGAAGCGAGATCTCTGATCATCGGGAGGCAGAATCCCTCGTCCCAGTAGCAG
TTGAAGTAGCTGAGTATGCCTCTGAAGTTGATCGGTAGGGCATTTCATGGGAATGATTCC

>trans_s_8136 DQ191662|Solanum tuberosum elongation factor-like protein mRNA, complete cds

AGGCGTTCAGATGGAGGGATTGCTTTGGGGAGCATCCAACTCGTCCCTGTTGGATATGGTATTAAGAACTA
CAGATAATGCTCACGGCACAACTACTGGAACACAGCCAACTGTTGGACATTGAGGGGTG

>trans_s_8137 GU071042|Liriodendron tulipifera gigantea-like protein (GI) and RPS18.A-like
protein (RPS18.A) genes, complete cds

CGATGCCAGATAATCTGCAAGTTCAGAGGCATGATGTTCTTAACCAATCCCCTGATATCTCAGAGGCGCTTTG
GCGGTTGGAAATCAGTGATAATCAAGATGGAGCAAGCGCTCGGCTGCTAATAGGAATGG

>trans_s_8138 NR_022701|Arabidopsis thaliana (U4.2) ncRNA

CTCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAACAACGGTCGAAGTGAGGTACTAACCGAGGCGCGTCTATTGCTG
GTTGAAAACCTATTTCCAAACCCCTCCCCTTAAGTTTAGAAACCCCCCCCCCAGAACCA

>trans_s_8139 NM_113284|Arabidopsis thaliana SBP3 (selenium-binding protein 3); selenium
binding (SBP3) mRNA, complete cds

TATGCTGCAGATTGATGTGATACACAGAAAGGTGGACTCAGCATTAACCCGAATTTCTTTGTGGACTTCGCG
ACCGAGCCTGATGGTCCTTCGTTGGCCACGAGTACTCACGCTGAGGACGATCATCTCC

>trans_s_8140 NM_001064873|Oryza sativa Japonica Group Os06g0673500 (Os06g0673500)
mRNA, complete cds

TGCCGACTACAACATCCAGAAGGAGTCCACCCTCCACCTTGTCTCCGTCTTCGTGGTGGCATGCAGATTTTCG
TGAAGACCCTGACCGGAAAGACCATCACCTGTCTTGGTCTGATGACAGTGTTGCCAG

>trans_s_8141 XM_002892806|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein-protein interaction
regulator family protein, mRNA

TGGCATAAGTTCGTGCTCTTTGCTCGGCTCTTTGTAAGGAATCTGATCTTCTCATAAAAGCTTCCGTTCCCGAG
AGTTGCTTGTCTTCCTCCTGAATTTCTCAACGTCCCCAAAAGCTGACCCAGCATTC

>trans_s_8142 GU397085|Hillebrandia sandwicensis voucher Montreal Botanic Garden 296057
tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GTAATCTCACTGGATCCTTTCAGGTATATTAAGAAGCAAATACATTTCTGGTATAGGAAGTCACGTTGCCGAG
ATTTCTCAAGTTCTAAATATCCTTTAAATTCCTCCATTTAAATTTGATTTGAACTGG

>trans_s_8143 XM_002869889|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata chloroplast elongation factor tub,
mRNA

CTCTGTCAACACGCCCTGTAGCGACAGTACCACGACCAGTAATAGAGAACACATCTTCAACAGCAAGCAAAAA
TGGAAGATCTGTTTGTCTTTTCAGGTATTGGTATATAACTATCAACAGCATCCATAAGTT

>trans_s_8144 XM_002890077|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata leucine-rich repeat family protein,
mRNA

GGAGTTGTCTGATACTGATGTTGGAAGCAATGGTCTACGTCATCTATCTGGTTTGTTTAATCTGGAGAAATTGA
ATCTCTCATTACCGTAGTTACTGACATTGGCTTAATTTTGCTGTCTGGGCTCTCATC

>trans_s_8145 NM_202477|Arabidopsis thaliana DRH1 (DEAD BOX RNA HELICASE 1); ATP-
dependent RNA helicase/ ATPase (DRH1) mRNA, complete cds

GGTTCTCTGCTCCAACTCCAATTCAGGCGCAGTCATGGCCAATTGCTCTTCAAAGTAGAGATATTGTAGCTATT
GCTAAACAGGCTCAGGGAAAACTCTTGGGTACTTAATACCAGGTTTTATTCATCTCA

>trans_s_8146 CP000590|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 10, complete sequence

CATCCCACGATCCTTCAACTGAGAATTCCGAGACTAAAGAGCTTCCACGGCGGCCTCGTCCCGATTCTACG
GTCAAGATCCGAGATTCTCACTCTGATGAATCTTCTCTCCCTAGACGCCATGCTCTC

>trans_s_8147 AB083031|Glycine max mRNA for syringolide-induced protein 13-1-1, complete cds

TGCAATGAATTGATGGGTAAGATCAGGAATTGGGCCAAAGAGAGCGAGAGGAATCGGAGGTGCTTGTCCC
GTTCTTCCAGTTTTCTGTTGGGCTACTAAGATGGGTCTACGGGGTAGTTGTGGGTAGCCAGA

>trans_s_8148 GQ422597|Triticum monococcum subsp. monococcum UCD DV92 FtsH4 protein
(FtsH4) gene, complete cds

TGGAGAAGCTGGGGTACCATTCTTCTCATGCAGTGGCAGTGAGTTTGAAGAGATGTTTGTGGTGTGGAGCT
AGAAGAGTGAGAGATTTGTTTTCTGCTGCAAAGAAGCGGTCACCGTGTATTATTTTCAT

>trans_s_8149 HQ156465|Cucumis sativus cultivar zaoerN glyceraldehyde-3-phosphate
dehydrogenase mRNA, complete cds

AAGGATTGGGAGATTGGTTGCAAGGGTTGCTCTCCAGAGAAATGATGTTGAACTTGTGCTGTTAACGACCCT
TTTATCACTACTGATTACATGACCTACATGTTCAAGTACGACAGTGTGACGTTAACCGT

>trans_s_8150 NM_001187412|Oryza sativa Japonica Group Os05g0313900 (Os05g0313900)
mRNA, complete cds

GGAGGTCTTCCTCCACTAGCAGACCCCCCTAAGGGGTCCCGCCCGCCTCAACACAAGCAATGAATGAATTCGC
GCCCTCAACCCTGGCGAAGTCGTCCGTAGATACCACCTCGCTCGTCGCCGCTCGGCC

>trans_s_8151 HM453949|Prunus serotina subsp. capuli voucher Morales 17 QCA internal
transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal
transcribed spacer 2, partial sequence

CCTGTCGCGTTAAAAAGTCGTCTAGCTCAGATATTTTATGGGTAAAGACTATTCCCCGACAGCACAAAGGTCTC
ATCGAGCTGGGATTATCAAACATCATCAAAGCAGAGGGAGTGATCTTCTCGTCGTTGT

>trans_s_8152 AF104392|Cucumis sativus extensin-like protein (EXTL) mRNA, partial cds

GTTAAGAGCCTTAATCTTAAGTGTGTACAAAGACAAACGGCCGCTTCCAATTCAGCCAACCCTGATATAATAG
TTACGTTTGCAGCGCATATTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGG

>trans_s_8153 NM_101164|Arabidopsis thaliana importin-related (AT1G12930) mRNA, complete
cds

AGAATAATTCAGCGAATAAGAAACACGTGGAAGATGTATTTCTATCTGTATTTTCAGCACTACTTGATGGGCTT
CTATTACGAGCTCAGGTGATTGAATCTGCTTTCAACGGGGAAAGAGGAATCTATCACC

>trans_s_8154 DQ629432|Davallia fejeensis 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCCCTAGACTCGTACAATCCTCGGGAGTCGGAAATGATCGGACGGTTGTGATCGACCCAGATCACAGATGGC
GCAGATTTTCATCATCGCAATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTAC

>trans_s_8155 Novel Gene

CCTCCCGAATGATCTTTGCGAGTGGAAGAGGTTGCTTAATATGGAATCTTGAGTCAAAAGGACGGGCATCTC
TCTTTGTACTGATAAGGAGTCAATGAACAAGGAATTTATAAGAAAGCGAAAGAACT

>trans_s_8156 AB071772|Pisum sativum rps4 gene for ribosomal protein S4, partial cds

TGGATCACCCGGTCAGAATGTGGAGAAGAAATCAAAGAGAATGGTTCCACCTACTCAAACTCAGAGGGGAT
GCCGCTACTACGAAAATCCCGGTTTTTGCAAGAGTTGCGTTTCCTCGCGCATCCCTCC

>trans_s_8157 Novel Gene

TCCTATTGATCTGTAGTACGGGACGCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGAGACTCAAAATCTCGTGCTAA
AGAGCGTGGAGGTTTCGAGTCTCTTCAAGGCACCATGCCTTGTTTAACTCAAAAAGC

>trans_s_8158 AY110342|Zea mays CL866_3 mRNA sequence

AGACAGAAGCTGCGCCGAGGAAGCTTTGCGCATGTTGAATGGAACCCAAATTGGTGGGCAAAACATTAGACT
TTCATGGGGTCGTAGTCCTTCTAACAGGTGATTCTGAATCAGCTTCGGCTGGCAAGGC

>trans_s_8159 NM_001069202|Oryza sativa Japonica Group Os09g0248200 (Os09g0248200)
mRNA, complete cds

CCCCAAAAGTATCCAGAAGCTGCAAAAAGGCATGAGCCTCCAGTGTGTTGCCATTACTAGCATCCAGATCAAG
AGCATCCAACCTTTGGTTTCCATTCTCCAGAAATTTCTTTGCTTGACCTTGACTTC

>trans_s_8160 AY029747|Populus deltoides 23S ribosomal RNA, 4.5S ribosomal RNA, and 5S
ribosomal RNA genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

ATTCGCCATGCACTCGACCCAAGTGAACGCTCGTGAGACAGTTCGGTCCATATCCGGTGTGGGCGTTGGAAGT
TTGAGAGGAGCTGTCCTTAGTACGAGAGGACCGGGATGGACACACCGCTGGTGTACC

>trans_s_8161 FJ127031|Pinus taeda isolate 6422 anonymous locus CL1674Contig1_04 genomic
sequence

AATGTGCGGAGACAACAGTCTTAGTGGAACCTTATCTTTCACTTTTAAGACTTTTTGCCGATGTTTCGTAGCCACG
GATCGTCCGTGCCTCCCTCCCTTTCTGAGAAAAGAATCCTCTGACCCTTTCCGGAG

>trans_s_8162 Novel Gene

AAGCCCCTGGGATTATTGAACGTAATAGTCGTACATCTAATATGCAAACAGGGTTAAAAGCGGTGGATTTCGG
ACCAAGGATATCCGGCCCCGGTTGCTCTTGACTATTAGCCCCTGGCTGTTTGACCCCC

>trans_s_8163 XM_002886125|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata succinate dehydrogenase 1-2
(SDH1-2), mRNA

TGTACGACACTGTCAAGGGGAGTGATTGGCTAGGTGATCAGGATGCCATTCAATACATGTGTAGAGAAGCAC
CGAAAGCAGTTATTGAGCTTGAGAATTATGGGCTAGGTAAAAGAGCATGACTTTGACC

>trans_s_8164 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

TAATAGCTTGGCCATGTCCTTTCGCAATATGCCTTATTTGTCGAGTGCATCTTCCTGCTGCAGTGAGACTGATTA
CAATGGTGCTGTGGATTCTGGTGCTGTGTCGTAATCTTGGCAAGTCCCGGTGGCG

>trans_s_8165 XM_002316297|Populus trichocarpa pseudo response regulator, mRNA

GAAGTAATTGCGGCTGCAAATGGACTACACGCATGGAAGATGCTAGAAGATCTGACAAATCACATAGATCTC
GTCCTAACAGAGGTGGTCATGCCTTGCTTATCTGGCATTGGAGACCCGCATGGACGCG

>trans_s_8166 FJ470253|Pseudopanax laetus voucher WELT SP86513 ribosomal protein L16 (rpl16)
gene, exon and partial cds; chloroplast

CATTCCAATACGTAATATGTAAGGTCTATGGGTCATCTCATAAAAGGTAGTGTAATAAAGCATTAAAGACTGAT
GAATTCATAATTAGATGAATCTGTTCATAGAACAAAAAATTGGAGATTTTAGAACA

>trans_s_8167 NM_125101|Arabidopsis thaliana PSD2 (phosphatidylserine decarboxylase 2);
phosphatidylserine decarboxylase (PSD2) mRNA, complete cds

AAGACATTTAATGAATTCTTTATAAGAGAGTTGAAGCCTGGTGTTAGACCAATTGCGCATGTGGAATGTGATG
ATGTTGCAGTATGTGCTGCTGATTGCCGACGCCGTTACGTTAAGTCAATGTCGTTGT

>trans_s_8168 AY107168|Zea mays PCO087750 mRNA sequence

AAACACACGGCAGAGGTAAACCAAACGAACCATCCAATTTGTTGACTGGTGCCCAACAGGATTCAAGTGTG
GTATCAATTACCAGCCACCTACACAACATGGTGGCGGGGATTGTGCCAAGGTGACCCA

>trans_s_8169 FJ719767|Mangifera indica cultivar Zihua CONSTANS-like protein (CO) mRNA,
complete cds

GGTGGTCGCAAGTGAGGCAGAGAGCGGCGGCGTCAGCCTTACAGGTTACATGAGCCGGAGCTTGCTCACAG
ACTTCACAAACCCAAACACGAGCATGGCGAGAGGCGAGCTTGTTGGCTGCGTGAACTTT

>trans_s_8170 AB177652|Daucus carota DcPA 6 mRNA for plasma membrane H⁺-ATPase, complete
cds

GCATTTCTGCATTGTTTTCTCAATAAACTGATTGTAGAGTTAATGATAAGCAGGGTGATGATACCAACAAA
ATCTTGCCAATCCGGGGGTTTTCTCCTCACGGGTACCTGTACCGCTAACGCCGTG

>trans_s_8171 NM_001065277|Oryza sativa Japonica Group Os07g0112100 (Os07g0112100)
mRNA, complete cds

GCACAATGGTACAATTTTAAATGGCGCAGCTTGTAGCCCTGCGTTTGTGGGGTGCGAACGGTCTACCTCATTT
GGTGCCGGTGCGCTATTGCGAGTCCCCACGCGCTTGGGGACGCCCTAAAGCACTTG

>trans_s_8172 DQ787084|Glycine max bZIP transcription factor bZIP107 (bZIP107) mRNA, partial
cds

ACCTTGAGGAAGTTGTATCTGTGGGAGAAGAACTCTACAATGAAGTTAAAGCGGAAGAGAAGATGCGAGT
AATGCATGAAAGGAAATGTGCAACTAGTCCTATAGGCTCATCTCCGAACAAGTGTTACA

>trans_s_8173 L42837|Chamaetrichon capsulatum large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial
sequence; chloroplast gene for chloroplast product

GGATAACAGGCTTATCTCCCCAAGAGTTCACATCGACGGGGAGGTTTGGCACCTCGATGTCGGCTCATCGCA
TCCTGGGGCTGTAGTCGGTCCCAAGGGTTGGGCTGTTGCCCCATGCCCTATTGCATA

>trans_s_8174 DQ451773|Leontodon kulczinskii 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTAACTCCATCTCTGCCGGCAGTTCGGCACCCCTGCGAACGGTA
AGACCCGACATAGGTAACGGAGTTTATCAAATTTGATCTCCTTCCATACTTCAACAAG

>trans_s_8175 AY107533|Zea mays PCO130446 mRNA sequence

AGGTTCAAAGATTTTGAAAGTCAAATGCCTGATTTTGAAGTCTATTATCGTTAAATAGAAAGATGAGAAAAAC
TAAGAAAATGCAAGAACCGAGAAATTGCCAAGTTTGAAAGGATGAGTTGATCTCAGA

>trans_s_8176 AF092431|Lotus japonicus nodule-enhanced protein phosphatase type 2C (NPP2C1)
mRNA, complete cds

GGGTGCTAGGAGTTCTTGCCACTTCAAGATCCATCGGTGATGAATATCTCAAACCATTTGTTATCTCAAAACCA
GAAGTGACTGTGACCAAGAGAACCGACAACGATGAGTTTCTCATACTAGGAAGTGA

>trans_s_8177 AB257588|Silene latifolia DNA, Y chromosome fragment sequence

CAATGGCAGAACCAACAGTAAATGGCAATAACAACAACATACACATTTTGAGCCAACACCTTTCCATAACCA
AACCTATGACCAGATGGAAATGGGGGCAAGACAGTAGTTCTGGAATTAAGAAAGGAT

>trans_s_8178 DQ372581|Gossypium hirsutum ribosomal protein S7 gene, complete cds

TTTTGCTCACCATCCAAGCCCCCATATAGCTTAGAATTGGAGAGAAATGTTTCAGCCGCTTTCGATGACGAGGC
CGAGAAATTGATATTACGCAATCGTCACTGTCCATCTTTATCAGCCAACCTCCCTC

>trans_s_8179 NM_001185708|Oryza sativa Japonica Group Os01g0834601 (Os01g0834601)
mRNA, complete cds

GGGGAAGACTCGTGGAATGGGAGCTGGTCGAAAGTTGAAATCTCACCGTAGAAGGCAGAGGTGGGCAGAC
AAGGCATATAAGAAATCTCATCTTGTAACGAGTGAGAGGATTTCCCATGAACTGAGA

>trans_s_8180 CP000597|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 17, complete sequence

TCGGTCTCTAGGTCTCTCATGAGAGGGAATTCTTTCTTCCCGGACCCTGGCGTGCGCTCCGGAGCCGTAATGT
CAAATAGATCTATAGATTATTAAATCAATTACCTCGAGATTAAATCTTTCACTACG

>trans_s_8181 AF196485|Vitis vinifera beta-tubulin (TUB) mRNA, partial cds

CAGAGCTCTGACTGTTCCCGAGCTTACCCAACCCCGTGTGGGATGCCAAGAACATGATGTGTGCTGCTGACCC
ACGACACGGACGCTACTTAACCGCCTCTGCTATGTTTAGAGGGAAGATGAGTACTAA

>trans_s_8182 AY147541|Smilacina racemosa photosystem II CP47 protein (psbB) gene, partial cds;
photosystem II subunit T (psbT) and photosystem II subunit N (psbN) genes, complete cds; and
photosystem II subunit H (psbH) gene, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

TAGAGATAAAGAAGGGCGCGAACTTTTTGTACGCCGTATATTAGTTCCCCCAGGGTGCCCTTAACCAACCCCA
ACGAGTAAGAGTAAGGCCACCGAGATTAGCACCTTCCCCTAGGAGATGAGGCTAGGA

>trans_s_8183 Novel Gene

ATCCGATGCTTTCAATCAGTCGAAGGAGCGGCATCCCTTGTGAAGAGATTCTCTTAGTCAAAGCTATCTCACTC
TAACGGCGTACCTTTTGCATGATGGGTGACGAGAGAAAATAAAGGGGTATTTCCGG

>trans_s_8184 AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

ATATAGGGCGACGGGAGAAAAAAGTTGCTATACTAGGTGGATGTGTAAAACTATTCTGTCTTTCCGTCCT
TTCACATGTATAAAAAAATATTGTGACATTTCTGTTTCTAACAGCATTTTCAAATT

>trans_s_8185 XM_002894191|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytosolic tRNA-Ala synthetase,
mRNA

ACTGGAAGTCTAGCCCGTTGTGCCCGTTAACGATCCACCTTCTCTTTGCTAATGCGGGTATGAATCAGTTC
AAGCCCATTTTTTTGGGTACTGTTGATCCTAACACGTCTTTGAGTTTCGAGTGGG

>trans_s_8186 GU180091|Zea mays transaminase/transferase mRNA, complete cds

CAAATGGGGGCATTGAAGTGGTTGAAGGTTTGTTTCGTTCCACCGTGTAGGGCTTTACTGAGATGATATCTGG
CCTGCCCCGTTTCACTGGTTTCTCGTTTAAGGGGCCTCTCGAGCTTCCGACTCTCAG

>trans_s_8187 DQ535792|Coccinia grandis voucher de Wilde & Duyfjes 22270 (L) ribulose-1,5-
biphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

TCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGAGCAGGGCCTCCTCACGAAGAGTAATTACTGGAT
TACAAAGTATCCATTGCCTCAAATTGTATCCATTGCCTCAAATTCAAATTTGATCTC

>trans_s_8188 AY104014|Zea mays PCO103489 mRNA sequence

ATATAGCCCCAGATGCACCTACTTTGGAGGAACTAATGCAAACCTTCGATGAAGTGGTGGCTGTTGCTAAAGA
GCTTCAGGGAATAACGGCCCAAGAGTGTTTGGCATTACACCAGAGGACGTACAA

>trans_s_8189 NM_001186591|Oryza sativa Japonica Group Os03g0595800 (Os03g0595800)
mRNA, partial cds

ACATTTGAGCTATTACGCCTTTGAAAATCCTCCAAAAATAAGCGTATGCCGGTGGATGCGGCAAGCACACGGT
ATTCTTTAGTAAAAGGCGAAAGAATAGTTCGCTCTGTGCTCACTATCCGGAAAACC

>trans_s_8190 CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

AAAAGCTTGGAATTTGTTTGATATTGAGTGATTTGAAGGAATTCTGGGTCTGAGGACTGATTTTCTCCTT
TTGGAAGATATTGGTTTCTGTTGATTTCCATAAGTGATTCTGGTGGGGTTT

>trans_s_8191 AF326225|Arabidopsis thaliana small nucleolar RNA R11, complete sequence

GGGCTTATGATGATATTTCAAATAATCTTAGCGGATTCAGTGAGATTTTCTATCAATGATCTGATTGTTACAC
ACACTGAAGCCTAACCAACTAGTGTGTATGATTATTAGAAAGCGTCAGTGCTAT

>trans_s_8192 AB297387|Cucumis melo var. cantalupensis ETR1 gene for ethylene receptor,
complete cds

GGTATAATATGTACAAGCATAAGGGCAGTTGCACATGATACCACAGCAGTTAAACCTTTGCAGTGGTCATTA
CTACTGCTACCGTTCTTGAATGCATGGTAAAGGTCCATAGGTTAATAAGATGTGTT

>trans_s_8193 Novel Gene

GAATGAATCTGTGGTTAGTTTGATTCATAGTTGATTCACGCATACGTTCAAGGGAAGCTTGACCATCAGACGC
TGTTGACGGAAGTCTTCTTTATTCCAGGGGAGCCTGGAGTCTGATGTTAATACATA

>trans_s_8194 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

AGTAGTCCGGGCGTATAGTGAAAATAACATTTGTGGACACTGGCGGTTGCTGCCACGATCCACTGAGATTGAG
CCCTTCGTCGCTCCGATTCGATCAAGGTTAATCGTCTCAGGAGTTCCTTCGTGTA

>trans_s_8195 EU580727|Citrullus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA,
complete cds

TGTTTCATATTCGAACACTTGGTGATTGGACAAGGAACTTAAGGATGTGTTTTAGAGGTTTGTGAGCCTCCTC
AAGCTGGTAAAAGTGGAATTTCTTAGAGCTGAATTTTGTGGACTCCTCTCCCTAA

>trans_s_8196 X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

CAAGAAGTCTTTTCGGTTAAACGCCGTGCGACTTGAGGACATCAGACTGATTGGCAAACCAAATTGAGA
CAGAATGCTCCTACCCACCATGCCTGTCCCTTACCGGTCCGTGGTAGTTTTGCC

>trans_s_8197 AC004708|CIC5B11.1 check: 4870 from: 1 to: 167234, complete sequence

TACTTGTGACCACCGTGTGTCTCTTAGCGGATTTGACTTCCATGACCACCGTCCTGCTGTCTTGACCACCGTGT
GTCTCTTAGCGGATTTGACTTCCATGACCACCGTCCTGCTGTCTTAATCGACC

>trans_s_8198 NM_001053953|Oryza sativa Japonica Group Os02g0613200 (Os02g0613200)
mRNA, complete cds

AAAGGATTGCAAATTCATGCAGTAAGGTCACAGATGCTGGTATTGCCTACTTGAAAGGACTGCACAAGCTTT
CACTACTGAACCTTAGAGGGTTGTCCAGTTACAGCTGCTTGTGTTGAACACTCTCTCA

>trans_s_8199 AY277683|Camelina sativa AGAMOUS-like protein CsaAG mRNA, partial cds

AGAATTTCTCATACTTCTTGAATTCTTCATCAGATCTTGAACCAAATATCAAAGAGTCACCCTGATTATCTTGTG
CATCAACCATTCTCAGACTTCTAACTCTTGGGTCAAACCTCAACTAATTGATTGG

>trans_s_8200 AF043539|Spinacia oleracea ClpC protease (clpC) mRNA, chloroplast gene encoding
chloroplast protein, complete cds

GTCCGTTCCAAATAAAGGTGTCCGCCGACCCAAAATCTGGGTACACGTTCTATTTGCTGCTGCCTTCCAACAA
CAGGATCTAATTTACCCTCTTCAGCCAGCTTAGTTAAATTTGTGCCATACTCTTC

>trans_s_8201 NM_001056005|Oryza sativa Japonica Group Os03g0232800 (Os03g0232800)
mRNA, partial cds

CATCAGATGCTGAAGTGAATGCTGATTCTGGAGTGAATGCTGATTCTGGTGGTGTGTCCTCTGGGGTTGGGAC
ATCACCTGAGATTGGTGGCTCTAAAACAACAGCTTCTGCTGCCCCGCTGTCCGCGT

>trans_s_8202 AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

ACTTTGAAGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTCTACTTATTTTTTTTAAAGTAAATTATCGACTCCATCCGACTAGTTC
CGGGTTCGAGTCCCGGGCAACCCACCATGGTTAAACTCTACTGCGGTGACAGCTG

>trans_s_8203 AY433790|Pyrus communis LYTB-like protein mRNA, complete sequence

ATTGGTAACGGCTGGTCCAGAACTATGATGCGGAAGCACGGAGTTGAAAACGTCAATGAGCACTTCCTCAGT
TTCAATACAATATGTGATGCTACTCAAGAGCGTCTTCTACGTTACATGTTTCGATGTA

>trans_s_8204 XM_003060403|Micromonas pusilla CCMP1545 flagellar outer dynein arm
intermediate chain 2 (ODA-IC2), mRNA

ATAAAACGGAAAACAATCAACCAAACACAAGAGTTGATAACTTGAGTGTAAGGAAACAGTATTCGTGGAGCA
TTTACAACATTTCTGTTCTTCACAATTCGACCTGCATCGAGTTTCACTTTGTTTCTTG

>trans_s_8205 NM_001068762|Oryza sativa Japonica Group Os08g0513700 (Os08g0513700)
mRNA, partial cds

GAAGATTCATCTGAACAAATCCTCAAAAGCATGGAGTAATCCGGAGTTAACATCGGTGTCACCTTTAGCAGTT
GTGAGTGGACAAAAGACCTCGTTTTTGGCGGAAATCAGTCCATGGCACTCTGTCTT

>trans_s_8206 XM_002867907|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 3
(ERD3), mRNA

CTAAATGGCCAGATCGTTTGCACACCTCACCGGAACGTGTTTCAGATGTTTATGGTGGGAGTACTGGCACTTT
CAAGCACGATGATAGCAAATGGAAGGTCCGAGCAAAACACTACACTGTGCCACTTC

>trans_s_8207 AY635050|Solanum brevidens S-adenosyl methionine synthase mRNA, complete cds

TAATAGAGCTCTGGTTCGGTTGGCGTATTAGCTCGAATTCTTCTCTCTTCCAGATCTACGCTGCCGATTCATC
AGAGATGGAGACCTTTCTATTTACCTCTGAATCCGTAGGCAGAACTGTTTTTC

>trans_s_8208 EU240611|Reaumuria soongarica voucher WY345 (HIB) internal transcribed spacer
1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2,
partial sequence

CACCGGCGACTTTGTGCCGCCAACAGCGAGAGGCTGGGACCAGCCCGTTGGCAGGCTGTAGGGCATCGCAA
CCTCCTGGCGCAGCCCTCCTGCTTTGTCAGAAAGTAATTCGCGGGATCATGCACCTTT

>trans_s_8209 DQ388166|Scytotetalum klaineianum voucher Breteler et al. 13096 (WAG) NADH
dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial cds; chloroplast

GGGCGGTGCGGTAGACCCCCCTCTCTGAGTCAGGTGTGTAAGCTCTAACAGAGCATCCATAAGCAATTCCTCAT
GGAAGAAATGGCCAATCCCATAGTTGAATAAAGAATGAACCTTGAAAATGACCAAT

>trans_s_8210 FN599860|Camelina sativa 18S rRNA gene, ITS1, 5.8S rRNA gene, ITS2 and partial
25S rRNA gene, cultivar Calena

TTCAAAGAAAAGGAGGCGAATATGATATGCTTAACTCAGCGGGTAGTCCCTACCCCGCATCCGGCCCCCGAC
TGTCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATAGGATCGAAATCC

>trans_s_8211 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

GTATGGACTGGCGTCCACGCTTCAAAGCCTCCACCTATCCTACACATCAAGGCTCAATGTTTCAGTGTCAAGCT
ATAGTAAAGGTTACGGGGTCTTTCCGTCTTGCCACGGGAACGCTGCATCTTCAC

>trans_s_8212 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete
cds

TAAGAACAATGTCGGATGCACCTCGTGCAGCGTCAGTGGCATCAGCAACAGCAATACCAATATCTGCCTTCTT
CAAAGCAGGAGCATCATTCACACCATCTCCAGTCATTCCACAAATGTGCTTTCTTT

>trans_s_8213 NM_001048994|Oryza sativa Japonica Group Os01g0225300 (Os01g0225300)
mRNA, partial cds

ACTTTTAGGGAGATTTTCTTCTTTAAATTGGCTTTGCTTGTGTGCGCTGACTCACCAGTAGATATGCCACCAT
GTTATTTTGGGGAGAAAAGGACTTGGCTGCACATTGTGTTTTGTACGTTCTTA

>trans_s_8214 Novel Gene

CCTGAGAATTGGAAGTCCTAGACCGTTTTGAAGAAGATCCTGACTCATCAAATCTGATCAACCTGAACCTCAA
GTTTTTAAAGACCACAGGATCCGCATCTCCTTGGTGTGGTTAGGTAGGGCTTTTT

>trans_s_8215 Novel Gene

GAGCTCGACTTGCTGCGTGTCTTCTTTGCTTCTCCGTCAAAACCGTCCGAACCCTTGTTTATCCACAGGTCTCAT
TAGATAAGGACACTCAAACGAGTCCAGAGGCTCGACTGAGTGATAAAGAGAACT

>trans_s_8216 X80170|O.berteriana rpl2 gene

GTAAAGGGTCTTCCTTATAAAGGAGATCATGATCAATCGGGGCTCTTCGACCAAGGAGGCATCCTGGTGGTA
GGAAGGCCGACCACTACATAAGCCGCCATCCGTCCAGGAGAGAAGGAAGCTACCTTT

>trans_s_8217 GQ162907|Momordica obtusifolia voucher WAG:F. J. Breteler 1838 LEAFY (LFY)
gene, exon 2 and partial cds

CTCCTCCGTTATTATCAATATGAAAGCTCTGAATCATCCTCAAGTTTTTCAGGGGTCTCCGAGTGAAGATAGAAA
TTTCAGAAGTGACGCTGATGACACAGAGACAGAGGAGGCAGAGGTGAGGTAGAGT

>trans_s_8218 X80170|O.berteriana rpl2 gene

AGCCAGTCATAAATGTTTCAGCGGGCAAGATGTGTCTAGAATTGCGATTGGTCCAAACCTTCGACCAGCGACTT
ATTGCGACCCGCCCCGAATGCGGTATGTATAGACTACCTTATTCACATCACACAGC

>trans_s_8219 AY107337|Zea mays PCO064147 mRNA sequence

TGAGCTGATCTTGCCACGACCCTCCTACATGTGTGTTATAGGAATTTGGAACCTTCGGTACCGTGCTCGGA
ACCCTCCACATATGGATACAAAACCTCTCTCAGGCAGAGGCAGTGAACCCTGACGA

>trans_s_8220 AY104665|Zea mays PCO121228 mRNA sequence

CGGGTATTTGTGGGTTTGAGAAAGAAGAAAGCCGTCCTCCGTCTCATTGATAAGGACATATTCATATATATTC
AACTCCGGACTGGTCAGATTACGCTTTCGCTGCAGACTGCTGCTCCCTGACAGATC

>trans_s_8221 AY786411|Haematococcus pluvialis IPP isomerase (ipp2) gene, 5' flanking region
and 5' UTR

CGTACCGTACGTAGTGGCGGTGCTCACTCCTCCGACGTTGCGCATGTCCTTACACGTCGATCGGGATACCGT
ACGCACTCAACAAGAGTTGCGCCTGTATCACAATGTACCGTACGTAGTGGCGGTGCG

>trans_s_8222 XM_002888595|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata flavin-binding kelch domain F box
protein (FKF1), mRNA

CTCCATTGCCTAGATCCTGGCATAGCTCCTGTATGATTGAAGGCTCAAACTGGTAGTCTCAGGTGGATGCAC
AGATGCCGGTGTGCTTCTCAGTGACACATGTCACAACCTAGATTGTTGTGACAAGC

>trans_s_8223 AY429441|Gossypium barbadense fiber protein Fb37 mRNA, complete cds

TCTAGTGGGTCCAAGCCGTCCATAAGGATGATGATGATGATGATGATGCCGCCAGGGTTTGGTTTAAGGCGA
GTTTAGCGGAGGAGGATTGCTGTTCTTTAACTGCAGATCTCTTGCCACGGGTGAAC

>trans_s_8224 NM_001068274|Oryza sativa Japonica Group Os08g0396700 (Os08g0396700)
mRNA, partial cds

AGGAGGACCCGTATTCAGACATTGATCCTCCTCCGACGGCTAAGGGAGTCTGATTTTCTTACTCATTCAATTG
CTAGTCCCAGTCCCCGATCCCCCTCGGGTGAATGCGTCATAGTCTCTTTCGGTTC

>trans_s_8225 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AGAGCGAAGGAAAAAACTTTTGAATTAGAAAATGGAAATAAAGCAGAAAAGGAATCTGTGGCCAAAGAGGA
TCTTGACTCAGTTCACTCAAACCACACCACCAACAGTCTTCTCTTTGAGTTTCTGGGG

>trans_s_8226 Novel Gene

GAGAGATTTGAGATTTGCGGGTCCTTATCCTTATTAGGTAGGAGTGCAACTCAGAATGGAACCTCAAAGAAAG
ATCTCGAGGTAGATAAAGACAGGTTTGCATACGCTTAACATAAGCCTTTCGTACAAC

>trans_s_8227 XM_002507008|Micromonas sp. RCC299 chromosome 1 ult-like transcription factor (MICPUN_54855) mRNA, complete cds

GATGGTCCCTGCGGATGCTATTGCGTCCATTACCAATTCTGGGGGATTACGGTTCCTCTTGGCATAATGGCTC
GGACGCAATAGCATATTACACCGGTAGGACGGTGCGTTGGCTAAGACCGAAACCG

>trans_s_8228 AF347628|Luffa acutangula translation initiation factor IF1 (infA) chloroplast pseudogene, complete sequence

ATCATATTGGCGCATAAGGAGTGTCTGGTTGAATCGTAACAACTTACTGAAATTTTGACTCTCTATTACCTAG
TATATGGATAAACTATGTTGAATCCTTCCTGAAACGTAACTAGATAACCGAGG

>trans_s_8229 NM_105997|Arabidopsis thaliana SUS6 (SUCROSE SYNTHASE 6); UDP-glycosyltransferase/ sucrose synthase (SUS6) mRNA, complete cds

CAGCCTGCTCTCTATGAAGCTTTTGGTCTCACAGTCATTGAGGCAATGAATTGTGGTCTACCAACCTTTGCTAC
AAACCAAGGGGGTCCAGCTGAGATCATTGTTGATGGGGTGTCTGGCTTCCAAATT

>trans_s_8230 XM_003081621|Ostreococcus tauri Myosin class II heavy chain (ISS) (Ot10g02360) mRNA, complete cds

CAGAATTTTAAATACGTGAATTTTTATGGAGAGTTTTTCATCAATCTCCATGGGTTTGATCTTGCTCTGTTTCTT
CTTTGTTTCATCTTAGTTTTGTGTTTGGATTCGAGAGTCATCTCCAACGTGGC

>trans_s_8231 XM_002874237|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata TIF3B1, mRNA

CGTGCTGGTTCTGACACTGAGGTATTCTGGAATGATGCTAGGCATTTGAAGCCCCGAGCCTGTCTACAAGCGTC
CATACTGGACCGAGAGCCCCACATGACAACCTTCTGCCAAAACTTACCTAGTGGTG

>trans_s_8232 Novel Gene

AGGTCCAAGACCAATATTCGTGCGGTCATCCATCCATCCGTTGGATTGCTTCATGATCCTATAAGAGCTTTATT
TAGTGGAAACTAAAAAGTTGATATGAAGAAGGAATCAATGAATAGAGGAGCTCT

>trans_s_8233 AY510449|Solanum tuberosum 4-alpha-glucanotransferase (DE2) mRNA, complete cds

ACAGTGGAAGGTACAGAATGGAATTAACTTAGCCACGCCGGTGACTCAATCTGGCATGGAGACTGCATCTT
GCAATTCAGTGATTCCCTTAAAGTACAAGTATTGTAAATATGGAAAAGCAGGAGT

>trans_s_8234 AY128291|Arabidopsis thaliana At1g31850/68069_m00154 mRNA, complete cds

GTTGCGTCACCAAGGGATACAGCCGTTTCCCTCTTCAACTTAAACCGGTTACCTTCCAGGAATGCAGCAGTGA
TTACCAAGATTACACTCCTTGACAGATCCAAGAGGGCAAGGAGGACGCAACCCA

>trans_s_8235 EF415859|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 021BT23M43-408.5 mRNA sequence

TGAGTCAATGTTTGTAGCTCAGGAGATATTTCCAGTTGGACACACAAAACGGATCACTTCCAGAGAATTCATT
CTCGGACTGGTGTACCATTCAAGTCTATGCTATTCTTTGATGACGAGGACCGTAA

>trans_s_8236 BT030338|Arabidopsis thaliana At2g26280 mRNA, complete cds

GCACTTGTTGACGACACGTCTGCTAGTTAACATATGAGAACTTCTACTTGAGCCAATAGAGTCATCAGCAGAA
CCGTTTCCATTGTACTTCCACATACCAGAATCCTGAGATGCCAATTCCTGACAGT

>trans_s_8237 FJ197998|Glycine max retrotransposon gmp1-118c24-re-5, complete sequence

CTCAGGCTTCGAGGTATCCACAAGTGAGAATGGAATTCGTCCGGAGGACCCATCCACAGGGACGGATCTTTCT
GGTGGGGTTCCTTAGCCTCTCCCTTTATGTGACACTGTCTTCTCGAAGTATAGT

>trans_s_8238 AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

AGGGTGATAATCAAGGGCGAGAGGTTAGAGTAACCAATTTAGATGCACGTAAGTATGATGGTATTAGGTTAT
GCAGCTCTAAATATGTTTCGACGGCGGGGACTGCTAGAGGCGCTGTCCGGCACGGGACC

>trans_s_8239 EF207451|Paeonia brownii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CTGAGAATTCGAAGTCCTAGACCGGTTTTGAAGAAGATCCTGACTCATCAAATCTGATCAAGAGGGGGGGGA
AGGGAATATTCTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACCAACCAACCCCGAAAG

>trans_s_8240 EU139865|Medicago sativa subsp. falcata cultivar PI502449 cold-acclimation specific
protein 30 gene, promoter regions and complete cds

GGGATTAAATTTTCGAACGGAAGATTGGATACAAGTACAGTGGAAGATATTTCTGTGATAGGATGATGAGA
TCTGATGATAGGATAGAGATACTTAATATAAAACACTGCTACCTGGTTGATCCTGCC

>trans_s_8241 AJ489978|Oryza sativa z132b snoRNA gene

AGCATCGGTATGAGGCCGGTGATGTGATTACAAATATTTGCTACTCTTGATGGATTAATACCATATGACGATC
ACTAACCACCAAGAACTCTGAGGCCTTATGGGTTTAGGTTGTTGTCGAGCGAACG

>trans_s_8242 DQ011576|Euphorbia characias polyubiquitin mRNA, complete cds

TGGAAAGCTCTGATACAATTGACAATGTTAAGGCAAAGATTCAAGATAAAGAGGGCATTCCACCCGACCAAC
AGAGGCTTATCTTTGCTGGTAAGCATGAACTCTACCGGCTTGCGAACGGCTATACA

>trans_s_8243 XM_002304456|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB10), mRNA

GCTGTGAACCTCATCCCTTTCCCGCGCCTCCACTTCTTCATGGTTGGTTTTGCACCCTTGACTGCTCGTGGCTCA
CAGCAGTACCGTGCACTCACCATCCCTGAGCTACCCAACAAATGTGGGATGCC

>trans_s_8244 AF387795|Cucumis melo transcription factor (EIN3) mRNA, partial cds

GGTGTCAAAAAGGTCAAGCATATGTCCCCTGATATAGCCAAGATCCGCAAGCTTGTTAGACAATCCAAGTGTT
TGCAGGACAAGATGACTGCCAAGAGAGACATCGTGCAATCCATGCGGCGACCAACC

>trans_s_8245 AY684131|Vitis vinifera ubiquitin-activating enzyme mRNA, partial cds

CAGGGCCTATTCATTTACTCTCGAGGAGGATACTGCAAACCTTTGGTAGCTATGAGAAAGGTGGCATTGTCACA
CAGGTGAAACAGCCCAAGGTGTTGAACTTCAAGCCATTAAGAGAAGCAAACGGTAG

>trans_s_8246 FN563089|Prasinoderma coloniale plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 1413

GGGATGAGGTGTGGGTAGGGGTGAAATGCCAATCGAACACGGAGATAGCTGGTTCTCTCCGAAATAGCTTTA
GGGCTAGCCTCAAGATGATGAGCGTCAAGAACGAGATGTCAGCCAAGCTAGCAAAA

>trans_s_8247 AB545982|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins and S2-RNase, complete cds, haplotype: S2

ATGAAGATGGGTTGGGTTTTACTTCTGTTCTTTCTGTTTCTTAACTTTAATTTTAATAATGGTTTTTCTAAGCCTC
TTGTTTACAACATCAACAACTTCAACCTGCCGTGTGTCCCATGAACACCAA

>trans_s_8248 NM_120236|Arabidopsis thaliana OSH1 (OAS HIGH ACCUMULATION 1); catalytic (OSH1) mRNA, complete cds

AAATGCTTGAACAATACTATGCTTCTGAACTACTCGCCTCAATCCGCCTCACCGATTGTTCCATGGGTCATTG
TCGATAATCACCTCTCCAGGAGGACTACCAGAACTTCATGGCCTACGCCCAT

>trans_s_8249 NM_106387|Arabidopsis thaliana AAP3; amino acid transmembrane transporter (AAP3) mRNA, complete cds

GGTCAAATTGCTTTCATGCAAGTGGTGGGAAAGATCCATGCCAAATTAACAGTAATCCTTATATGATAGGTTTT
GGTATTGTAGAGATAATATTTTCCCAAGCCGGAAGTTCCTTCGTGAAAAAAGG

>trans_s_8250 CP001329|Micromonas sp. RCC299 chromosome 9, complete sequence

AGGTCTGGGGAAACCCATAGCTCTGTTTATTTTGAAGATCAGGATCGGCCGGAAGAGCTGTGGAAAGGGAA
ATAAGCTTAGAAATCAGATCGATGGCGACCCAGAAACCGGTGGTTGTTTCGTCGGT

>trans_s_8251 X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

TGCATGTGTTAAGCATGCCGCCAGCGTTCATCCTGAGCCAGGATCGAACTCTCCAGAGTGGAAGCGTCATCCA
TGGAATTGGTTGATTGGTTATGAAATTGGATGAAGATTTAGAAGAAGAAGAAGAA

>trans_s_8252 FJ087829|Pinus taeda isolate 4770 anonymous locus 1_6493_01 genomic sequence

CAGCCTGAGCATGGGCACAGAGATGCTGATCATGATCCCCAGTACTACGACCACTTTGAACATAACCGAGGTC
GAGGGCAATATGATCAACCAGAAGGCCACCGTGACCAAGATCGTTATGATCACAT

>trans_s_8253 DQ469448|Phaseolus vulgaris microsatellite SSR-IAC51 sequence

AAGCTAAGACGGCAGCCGGTGAAAGCATAGTGATGATGATTTAAACATGTCCGATCATAAATACTGACCTTAT
AGTTGGAGGATGAGTATGACTTACAGTTCAACCAGCTTCATTGACGACTGCGCTA

>trans_s_8254 AY180904|Leucophyllum minus internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

CGGTGGAAATGTACGGGAATCCCGGCGAGGAGTATCAAATCGAGGGGTGTTTTGGGCAGCGATTATGCACA
GTTTTGAATGTTAGGAAGGAACCGGTGGCTACATAATCGGAAGGGACCAGCATCCTA

>trans_s_8255 EF135616|Rhizanthus zippelii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACGTTTGGCTGATCGAAGAAGGGTGAAAAAAGGATTTAGTGAGTAAGCGCGACAGCGCGAACTTCGAAAGG
GAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCCTAA

>trans_s_8256 AY727937|*Marcgravia rectiflora* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCCCATGGATTAACATAGCACGGTTGGTTTATCGCCGGGAGCGCTATGAGGGAGGGCGGCGAGGGGGAGA
TCTTGACGCGGGAGCTTTGGCGGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTG

>trans_s_8257 AY330166|*Populus tremuloides* CesA7A-like mRNA, partial cds

AACACTATTTAGATCAACATGAAAGGATTGGATGGTATTCAAGGGCCAATATACGTTGGAACAGGATGTGTC
TTTAGGAGGCAAGCTCTTTATGGGTATGATGCCCCTGCTAAGAAGAAAGCACCAA

>trans_s_8258 AB050126|*Amaranthus tricolor* cab3 mRNA for type III chlorophyll a/b-binding
protein, partial cds

AAAGCATTCTAGCCGTGTTGGGGTTCCAAGTCGTCCTCATGGGTCTAGTAGAAGGGTTCCGCATCAACGGTCT
CGATGGCGTCGGCGAGGGCAACGACCTCTACCCAGGCGTGACCATGAACACAAAC

>trans_s_8259 DQ087931|*Larix potaninii* probable 26S proteasome regulatory subunit (sb46) gene,
partial cds

ACCGCTTGCATCCGCACTTCAGGTATTACATGAGAGAAGTCAGAACTGTTGTTTATCCAGTTTTTGGAGTCC
TATAAGAGTGTTACCATCGAAGCTATAATGGGAATGCCCAAGACGCTCACAAGT

>trans_s_8260 XM_002889464|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* transducin family protein, mRNA

GCACATTTTGAAGGATCATACAGCTGAGGTCCAAGCTGTTACCGTCCATGCTACCAATGACTTCTTTGTTACCG
CCTCCCTTGATAACACATGGTGTTTTTATGAACTCGCTTCAGGATTATGCCTGA

>trans_s_8261 X54722|*B.vulgaris* mitochondrion DNA for repeat II (partial) and Fo-ATPase subunit
6

GCTTTTCACAGCAGCTCTTTCCACACCTCCGGATATCTGGTGCCAAATTGTCGCCTTTTTCTTATTTCTTTGATT
TTAGAGTTGGCTATCTTTGTGGCATTGATTGTACAACAAGCAAGAGAGGGCT

>trans_s_8262 AJ585193|*Olea europaea* subsp. *europaea* 18S rRNA gene (partial), 5.8S rRNA gene,
26S rRNA gene (partial), ITS1 and ITS2

CATGTCCCCAGGAAAAGCTCGAACGACCTTCAACAGGGAAGTACCTGTACCCGAAACCGGTTCTGGCATCGAT
GAAGAACGCAGCGAAATGCGATATCCGGTGTGAATTGCAGGATCCCTATCCACTG

>trans_s_8263 NM_179981|*Arabidopsis thaliana* amino acid transporter family protein
(AT2G39130) mRNA, complete cds

CCAATATTTATAGTTCAATGTCAAAACCAAGTCAATATCCTTCAGTCCTCTTAACATGTTTCGTTGTTGTACTTT
GATGTATGCGGGGGTTGCTTTTGTGGGATATTCAATGTTTGGAGAATCAACG

>trans_s_8264 AJ429671|*Vahlia capensis* chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene (partial)
and tRNA-Met gene

GTGTAAACGAGGTGCTCTACCAACTGAGCTATAGCCCTTG TGATACATATCTTATCATGTAGATAATTTCTTGT
CAAGATGAATATTCTATAATCTATTTTGTGATTTGTTGATTGGTATTGCTTA

>trans_s_8265 X68256|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 6

AAAGTCGATCTAAATGTTGGTCGCGCCAACATCGTATTTTCTTCTTCCAAGTCAAGCCCTTCTTAGCTTA
GAAAGCACTCGCTGAGTTACTTACGGAATCTCAAATCTCTCTCGACGCCGAGA

>trans_s_8266 EU717679|Litchi chinensis ARF-like mRNA, complete sequence

ACCCTGTGATTTGCATGTTTGCTGCAACTTATCGGCCTCACTGATGGCAACTGACTTATCAGCCAACCTTGAAC
CCCTAGGTAGTTCAGACTTCAGGCCAGACTCGATGGAATGGATTGATGTACAT

>trans_s_8267 CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

AGTAGAACAACTGCGAAATACGGGTAACCTTCGTGGGGACGGCCGACCTCCATCCCTGGTTTTAGATCCCTC
ATCGACTCGCAATGATGCTGAGGCCAACGCCAGCGTAATCATAGGGATCGGACG

>trans_s_8268 U52079|Solanum tuberosum P-glycoprotein (pmdr1) mRNA, complete cds

GGCTATATCAGCGCGCGCTTATATCGGAAGCAGCAAACAAGCATGGCTCTTGAGGTACCATTGCAATGTGCTT
TCTCAGGGACTTGAGATTGAACTTACGAATATCCTTCCATCAATCATAACTCGT

>trans_s_8269 AJ429730|Scaevola sp. Lundberg 55 chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene
(partial) and tRNA-Met gene

CTAAAGAGTTATTCTAGTTGAAAAATGATTACATGATGTACTTCTCTGAAAACACGGCGCGCGCTGTAAACG
AGGTGCTCTACCAACTGAGCTATAGCCCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTTTCT

>trans_s_8270 AB433810|Lotus japonicus LjCPR1 mRNA for cytochrome P450 reductase, complete
cds

TACCTCGATTGCGGTTCTGATCGGCTGCGTTGTGGTATTTGTTTGGAAGAGATCTAGTGGTCAGAAGTCTAAA
CCGTTTCGAGCCTCCTAAGCAGTTGATAGTCGCTCTCGGACTGCCGGAGACGAGCA

>trans_s_8271 HQ622716|Phaseolus vulgaris cultivar BAT93 60S acidic ribosomal protein PO
mRNA, complete cds

TTGGTTTGGTTGCTCCAATTGATGTCATCGTCCCACCAGGCAACACTGGGCTTGATCCATCTCAGACCTCTTCT
TCCAGGTTCTTAATATTCCAACCAAGATTAACAAGGGTACTGTCTCACGATAA

>trans_s_8272 AY792593|Cucumis sativus ethylene response factor 1 (ERF1) mRNA, complete cds

CTTGCTCCCGGCTAGAGGACTCAACCGTGCTACTCTGACTCGGGCTCTGATTATTGTTGATGTTGCCTACTCTA
AAAATAAGAATCAAACGAGCTTTTACCCTTTTGTCCACACGAGATTCTGTTC

>trans_s_8273 AY727937|Marcgravia rectiflora 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCCCATGGATTAACATAGCACGGTTGGTTTATCGCCGGGAGCGCTATGAGGGAGGGCGGCGAGGGGGAGA
TCTTGACGCGGGAGCTTTGGCGGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTG

>trans_s_8274 AF274669|Tetracarpaea tasmanica 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCGTCAGGCCGAAATTCTAATCCAACTC
AACCGCAGATTGATTCTTTGTTTCGAAAAATCCGAAAATCTAGATTCGTAACAGC

>trans_s_8275 Novel Gene

ATGGGAAGCCTCGTTGGCTCGAATCAATACGGATGGATTAGTAATGATTAGTTATCTATCAATTTTTATTATT
TAGGTAAGGTATCCATTTTTGGATTGGGGGAGGCGCGACGGCTTTCCCAATCCC

>trans_s_8276 NM_112561|Arabidopsis thaliana ARR1 (ARABIDOPSIS RESPONSE REGULATOR 1);
transcription factor/ two-component response regulator (ARR1) mRNA, complete cds

TTGGTAGAGCTCCGCTCTTGCAATTGGGTCGTTGCGATATGCCCAACCGCACTCGGCCACTTGAATAACGGCA
GCGACGCTCCACGTTTCAGGTTAACAATCTGTCCCCCTCGGATAATGGGGAAGAGG

>trans_s_8277 Novel Gene

CTTCAGATCATGCGATCCTAGAGTTGAAGATATAGACGAAGGACCAGCTTCCTGGTAAGTCAACGACAGTATA
GGGGTTGGTTGCTCATCAAATCTGTTTCAGATATATTGGCTTATCCAGATGCCGAA

>trans_s_8278 NM_001054882|Oryza sativa Japonica Group Os02g0788400 (Os02g0788400)
mRNA, complete cds

AGACAGGACTGGAAGTATGATATGAGACGCAGGAACGATGAAAACCTCTGTTCTGTGCACCAATCTCTCAGAGGA
CACGAGAGAGCCTGATCTGCTTGAGCTTTCCGATCTTTCGGTGCTGTTAGCCGAG

>trans_s_8279 Novel Gene

AAACGGACTTCAGCAGCAATTCCAGCTTGTCTTCATTGTGAGAAGAAGAAAATGAAACGGCATTTGAGGTCAA
AACAGATGAGGTGAAACCAAGTAGCGATCATAACAGAGGAATCTAGCATCGACACT

>trans_s_8280 NM_001068651|Oryza sativa Japonica Group Os08g0491200 (Os08g0491200)
mRNA, complete cds

GAAACGTCTACCTAATGTTTCCGATGAAGAGAGTTAACTCCGTTGTCACAGCGGCGGATTTAGCCACGTTCTTC
ATGGCAGCCAACTCTGCAGCCAGACGGATTTGAGCGCTTTCGCGGAAACCCCG

>trans_s_8281 Novel Gene

TGTGCACCTTCCTCTTTTCTGTTAGTTACTATTTAGTTCTTTTTATATCCATTATTTTGGTAAGAAATCTTATCTT
CTGCTATTGATTTGAATGTGATTGTTAATGGGTCGATGTCATACGGGTGTA

>trans_s_8282 Novel Gene

AATGGGCTGTTGAGGCTATGACCCATTTGTGAAATAATACTTCTCACTTGATTTTTCTTCTCTCTGTTTTCTTT
TTGCTGAGGGGGTTTCAATGGATCCTCGTACCCGTTTGGATCATGCTTTATT

>trans_s_8283 EU188918|Vitis riparia cryptochrome 1 (CRY1) gene, complete cds

AGATACATGAGTTTCAACCATCCGTACAGTCATGAAAGACCTCTTCTTGGGCATCTTAAATTCTTCCCCTGGGTT
GTGGATGAAGGCTATTTTAAAATTCAAGAATGGAAAAGGACTGGTTATCCATT

>trans_s_8284 FJ848866|Gossypium hirsutum cinnamate 4-hydroxylase (C4H1) mRNA, complete cds

CAGGGAGTTGAGTTCGGATCTCGAACCAGAAACGTCGTCTTCGATATCTTCACCGGTAAAGGTCAGGATATGG
TTTCACTGTCTATGGTGAACACTGGAGGAAGGCAAACGAACGAGAGGCGTCTAG

>trans_s_8285 AY375326|Gossypium barbadense fiber protein Fb4 mRNA, partial cds

GAATTCCATTTCCGAGAGAAGTTACAGATGAGAAAGGTGCAAAGTCAACATTTAATGGCATGTCCCAACAAGC
TTGGGAGGTGGAAAGGAATTTTGTGGCTCCAGACCCAGAGAGACAGGATGGCCT

>trans_s_8286 NM_125139|Arabidopsis thaliana calmodulin-binding protein (AT5G57580) mRNA, complete cds

CGAGAAGAAACGCCCACGCCAGTCCTTCGCCTCGATCATCGGGGAAGTTGTAATGGTAAATTCCTTAAGACAT
CTATCAATGCACTGGAACCATTACTCAGACTGTGTTGTCCGTCTTCCTGATCAC

>trans_s_8287 NM_001049908|Oryza sativa Japonica Group Os01g0570700 (Os01g0570700) mRNA, partial cds

TTTTGAGAAGTTCCAAGGCAGCGATGTGCTATTAGGGCCTGAGATGAGAAGCACCGGTGAGGTTATGGGTCT
TGATTTTCAGTTTCCTATTGCATTTGCTAAAGCTCAAATTGCTGCCGGAATAAGT

>trans_s_8288 FJ624871|Eriobotrya japonica ethylene receptor ERS1a (ERS1a) mRNA, partial cds

GTTTGAACCGGGGTTTGAAACCAAATTCTCCTCAGGAGTCGCTCGTTTTATCGAGTCCACTCTGAACCGTGCT
CGAACCAGGGAGCGGACAGATGTTTCGAATTTATTGATAAAAAAAGTTGGGAGC

>trans_s_8289 AF043089|Hordeum vulgare dehydrin 3 (dhn3) gene, complete cds

AGTCATGGCCGTAGAATCCCAATATATTCTGCTGCAGGAAGTACGTTGGCAGTGGAGGAGTCAGATTCACCG
GTTTCTGGTGAAGAATCAACTCAAATTCAGAACTCCGAGGGGGAGGGGAGAGAA

>trans_s_8290 NM_001125161|Arabidopsis thaliana PPI2 (proton pump interactor 2); protein binding (PPI2) mRNA, complete cds

AAAGCTAAGCTAGCCATGGAAAGGAAGAAGAAATTGCAAGAGAAAGCAGCCGAAAAGCCTCTCTGCGAGC
TCAGAAGGAAGCAGAAAAGAAATTGAAGGACCGTGAAAAGAAAGCAAAGAAAGGAAA

>trans_s_8291 XM_002865457|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata metalloendopeptidase/
metallopeptidase/ zinc ion binding protein, mRNA

GAAATCTAAAATCCAAAGGGTGTATACAACAATGTTTAATCCAACAGGAACAAATCCTTCCTATTCAATGACAT
CAAGACCTCAAGGTTTTTCATCAATCAAGCCATTCTCCATCTAACCTCTTCATG

>trans_s_8292 NM_001065218|Oryza sativa Japonica Group Os07g0102400 (Os07g0102400) mRNA, complete cds

GGCGACACTGTTGTCATTCACTCCGATGTATATCCAAATGCAAACCTGTATGAGATATATCACACTGTTGATTG
AAATGTAAACTGTTCTTAGTTTATCTGTTGGCAGACTTCTTGCTGGTGGTATA

>trans_s_8293 FJ160583|Hevea brasiliensis microsatellite Hbtrn-99 sequence

TAATGGTCAGTACGGAATGAGGATGGCTCGTGCTGATGACTATTATGATCGTGAAATAACAGAGGAAGAGTT
TGAGAGGCTTCTTGAATTTGCTGAGCAGTGCAATAATAATAAATTCCAGAATGT

>trans_s_8294 X13914|Wheat signal recognition particle (SRP) 7S RNA variant 2

CATAACCCAAGTGGGGGCACTGAGGTGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCGTGTAGGGCTTTACTGAGATGA
TTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCAGGGCATCTCATCAGTAGGTT

>trans_s_8295 NM_001062532|Oryza sativa Japonica Group Os05g0508700 (Os05g0508700)
mRNA, partial cds

CCTGCGGATGCTAACGCGGGTGTTTTCTTGTAGAAGACGTTGGTAGCTCTGGAACAGATTCGAAAGGGAGG
AAGGCCAAGGACGCTAGATCAACTGCGCTGCGTCCACGAATTTCTCCCTCCTTCTA

>trans_s_8296 AF035944|Fragaria x ananassa calcium-dependent protein kinase (MAX17) mRNA,
complete cds

ACTCTACCAGGAGCAAAGCTCCATAACCAAATGAACAGCGTTATCGTCTTCAAACGTATCCTTCAAACCTCACAA
TGTTCTGATGCTTCGGCAAATGTCTCATAATCTGAACCTCCCGCCGAACATCCT

>trans_s_8297 XM_001760605|Physcomitrella patens subsp. patens GAPN (ALDH11C) mRNA,
complete cds

CCCCGGAATCGACCACTAGGCCCGACAATCCCCCTCGAAGATCAGATGGTAGTGCATGAAAATATTCATCATT
CAAATGCAGAAATGATGGGTTATAATCATCACGCCTTGCGTTAGCATCCGCAGGG

>trans_s_8298 XM_002869409|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata regulatory particle triple-a 2A
(RPT2A), mRNA

GAATCATGCCATCGTTTCTTCTGTTGGGCCGGAGTATTACGTTGGTATTATGTCTTTTGTGATAAAGATCA
GCTTGAGCCTGGGTGTGCACGGGGTCGTACACATCCTTGCAGGGTTACCACCA

>trans_s_8299 Novel Gene

GTTATACTGCAACTGAGTATCTGCAACCAATTCGATCCTCTGATCTAAGAGAGAATTTGCCTCCATCGAAGTCA
CTTTCGCATTCGAGACATCTGTATTCTCCTCAAGCCATGCCTGGTCCAAACTCT

>trans_s_8300 AY490247|Lycopersicon esculentum CONSTANS interacting protein 5 (CIP5) mRNA,
partial cds

GAGCCTCTTGAGACGACGTGGACTAGGCCGCTGGTCCTTCAAGTTGTTCTCCACGGGACTGGCCTCCGAGG
GGATGGGATGTTGATAGAGAAGAGCTGGAGTTTATTAGGGGGGCGCACAAATTGCC

>trans_s_8301 AY093790|Arabidopsis thaliana At2g20670/F23N11.1 mRNA, complete cds

CCGGTGATTTCGTAACCGATTACAGATCTCTCTGCCAGCAGTTCCGGCAGCTTCTGACGGCGACGTCCACACA
CTCGCATATCGTTGATTCTATACTTATTCCTTAGAATCTCCGCTGTCGCTCG

>trans_s_8302 EF121318|Citrus unshiu pectate lyase 1 (PL1) mRNA, partial cds

CGATTCAGTACGTGACGAACATTATAATCCATGGTCTCAACATTCACGACTGTAAACCAGGGGGAAACACAGA
TGTGAGAGATTCCCCTCGACTCCCCAAGCCTGAGGTTGCGCTAAGTTTGTCTTA

>trans_s_8303 NM_001065628|Oryza sativa Japonica Group Os07g0191200 (Os07g0191200)
mRNA, complete cds

GGATGCTAGCTGATCCAAAGGAGGCACGTGCTGGGATTGAGGAAGTACATTCCTTCCTTTCAATCCTACTGA
TAAGCGAACAGCTTTGACTTATATTGACCACGAGGGCAAGATGCACAGAGTCAGT

>trans_s_8304 AJ538695|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BC4-M31-020

TCAGGATTGAAGAGAAGAAGCATGAACAGAGATTCAAAAGCAAACATGTCGTGGGGAGCTCGAATGCGCAG
GGAAAGGGACGAGCTTCACAAGGAGGATGCGTAGCCTAACCTCCGTTTCATCTCGGG

>trans_s_8305 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete
cds

GCACCTAAAACCAAGTTCTGAGGGATGGAAAATGGTGTGAACAAGATGCATCAATTCTAGTACCAGGAGAT
GTGATCAGTGTGAACGGTTTCTCGCGACGAACTACTCGTAGATGAGAGAGCTCCC

>trans_s_8306 EU002445|Quercus nigra photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB),
photosystem II protein T (psbT), photosystem II protein N (psbN), and photosystem II
phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

AGTGGGCCAAGACGAACTGTTGTAGGGGATTTATTGAAACCATGGAATTCGGAATATGGTAAAGTGGCTCCT
GGGTGGGGAACCTACACCTTTGGCAAACACTATAGCAAACCCGCCCATAGCGCCTTC

>trans_s_8307 U81312|Nicotiana tabacum S-adenosyl-methionine-sterol-C-methyltransferase
mRNA, complete cds

TCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCCCTCTCTAGATTCCTGTCCCTCTCTGCTTTCTCCACGTTGTTGCAGAGAAATGTC
GAAGGAAGGAGCTTTGATCTTGCCTCCGGATGAGGCGGGATCTTGCTTTT

>trans_s_8308 AY664418|Zea mays cultivar Mo17 locus 9008, complete sequence

GGCGACACCGGCGTCCGCAACGACGACGAGAACAAGTCCCGACGGAAATGAGGGAACTAAGACAGTAGCCA
ATTCCCCAGTTGGTTTGATGGCGGTGGCGATGGTCGTTGTAATCTCTTTTACGGTGT

>trans_s_8309 AC223441|Oryza glaberrima, complete sequence

ACTTGGTGTGGAATGGGAAAGAAGGAGATGAAGAAAGAGGAGTCATCGGAAACAGGGGAGATCGGAGTT
CCGAGTACCGTTTGTCTTTAACGCCGTCTTGTTGGGCGACACAAATGGACCACAGGT

>trans_s_8310 Novel Gene

CATGCTCAGTATTATCTTCACTCTTTGCTCGAACCGCGTGTTTAACAGATAAGATTCAACTCACAAGCATTTCATC
GCTAGATCAAATATGGCGTCAGTTCATGCTACTATAACACCGGCTGTTGTGCC

>trans_s_8311 DQ385526|Ginkgo biloba class III homeodomain-leucine zipper protein C3HDZ2
(C3HDZ2) mRNA, complete cds

CTAGGCAGGACCTACGCATTGACGAGTTCTGTAGTAGAATGGTGGAAGCCACCTTTAGCAACTATTATGTGTC
GTATATCGATTGGATTGCCTTGGTTAATTATTTGTATTGAATTAAAGATCGAGA

>trans_s_8312 X64198|N.tabacum LHC-I mRNA for photosystem I light-harvesting chlorophyll a/b-binding protein

AACATCTCGTGTTCGTTACCGTTCCTTGAGTTACTGGTTTTGGTGGGCAAAGTCCCCATGGAAGTGGTTGT
CCCAAGTATGTAGCTTGGCCTCCTGGAAGTGTGCCATTCTTGAGCTTTCACC

>trans_s_8313 XM_002314503|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AGTGGTTGTTCTGAACGGGAAGCTTCTTGTATAGCTGGTTATTCAATTGCCGATGGGACTGATTCTGTTTCAT
CAGACGTTTATCAATATGATTCTTGCCTTATATCCACCTCGTTTGTGGCCACCC

>trans_s_8314 AB232049|Physcomitrella patens Nia1;2 gene for nitrate reductase, complete cds

ACCATAAAAGTCAGTATCGCATCTTTCGCTTGGGGCAATGACGCAGTCGACAGAACGTCGGTTAGAATATAC
TCGCCATCAACCAGGGGTGCCCCTTGGGTTTTTCAGGGATTAGCCCCCGTTGTA

>trans_s_8315 Novel Gene

AAACTCTTGCAAAGAAAGTCAGGTGGATGGCTATTCAGGCTATCCGGGAAAGAGCTTAAGAAGGAAGGATG
GAAGTTGGCACCTCAAATTAGTCTTTTCGAGCGGTCCGGAGTCCGAAGGACTATCCT

>trans_s_8316 XM_002304456|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB10), mRNA

CCCCCTTGGATTGGTGAGCTTGAGGGTCTAAAGCAGATGTCATAGAGGGCTTCATTATCCAAAACCATGCAT
TCATCAGCGTTTTCGACTAACTGGTGACAGAGAGAGTGGCATTATAGGGCTCGA

>trans_s_8317 EF104641|Carthamus tinctorius ATP synthase CF1 alpha subunit (GPY2) mRNA, complete cds; chloroplast

TGAAAGAGCCGCTAAATTAAGTTCTGCTTTAGGTGAAGGAAGTATGACTGCTTTACCAATAGTTGAGACCCAT
AGCCCTCTACAAAGTCGAATATAAGGATGATTACATTAAAGGTAATGGCTACCTG

>trans_s_8318 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

GACAGTCTCAGGTAGATGGCGAATTCTTCAGAGAAAATTGTGTCTTCTACAATGGAATCTGATAAGTGAGATT
TCGAGTAAGTGTTCCTAATCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCAGATCCTAT

>trans_s_8319 EF595957|Oreosyce africana isolate 2007-B50 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence; chloroplast

AAATCAATGCTAATCTTTTTTAAGGTGGAAATGAACGTTGAAAGGCGGAAGGACATTGGAAGTATTGATCCA
ATTCAATAAAATTATGTTTCGTAATTCATGATCCAATTCCTCCTCCGTCCCTCG

>trans_s_8320 FN824389|Chaetophora elegans partial 18S rRNA gene, specimen voucher M:3254

TAGCTCTAGAATTACCACAGTTATCCAAGTAGGAGAGGAGCGAGCGACCAAAGGAACCATAACTGATTTAAT
GAGCCATTCGCAGTTTCACTGTACCGGCCGTGCGTACTTAGACATGCATGGCTTAA

>trans_s_8321 NM_122251|Arabidopsis thaliana FTRA1 (ferredoxin/thioredoxin reductase subunit A (variable subunit) 1); catalytic/ferredoxin reductase/ferredoxin:thioredoxin> (FTRA1) mRNA, complete cds

AGCGAGAGTTAGGGTTAAGGTGCCTTTGAAGGTGTATCATGTAGCGAAGTTACCAGAGGCGAATCTTGAGGG
AATGGAAGGAGTGCTTAAGGATTATGTTCGTGTTTGCCTTTTCCTATGTGGGAA

>trans_s_8322 XM_002892539|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADP-ribosylation factor, mRNA

ACCGACAAGCTTGGTCTTCACTCCCTCCGACAACGTCACTGGTACATCCAGAGCACTTGCGCCACCTCCGGAG
AGGGTCTTTATGAGGGGTTGGATTGGCTCTCCAACAACATTGCTAACAAAGGCAT

>trans_s_8323 DQ307082|Crossosoma bigelovii NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial cds; chloroplast

AGCTGGTGAATCTCAAAAATTAATTAGGAATTTAATATACTTTTTATGGAATATACATATCAATATTCATGGAT
CATACCGTTCATCTCACTTCCAATTCCTATCTTAATAGCTCACCCCTCAACT

>trans_s_8324 NM_118874|Arabidopsis thaliana late embryogenesis abundant protein-related / LEA protein-related (AT4G27400) mRNA, complete cds

GGCGGGGTCCGAGGCCGGATACAGCTAATGCTATCAGGCCGGGGATATGATATCCGGTCCTAAGGGGATATT
CAAGCTTCAGATAGATTAAGGCTCTCCGTCACGCTCTCGTCGGCGACTGAAATCC

>trans_s_8325 XM_002893553|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kelch repeat-containing F-box family protein, mRNA

TGCAAGGATAAGGTTTGCCTCATGGCTTTAGATGTGTCTCAATCCCTCACGAGGGCACTCTCTTTGTTTGTGG
TGGCATGGTATCGGATGTTGACTGCCCCCTTGACTTGGTCTGTCTGCGTCTC

>trans_s_8326 EU867115|Pseudotsuga macrocarpa prephenate dehydratase family protein gene, partial sequence

GGTAAGGCGCGCCCGGTGCCGCGGAGTTCGTTGCCATCAATAACCTCCGGGACACAGCCGAATCGCTAG
CGCTAGAGCTGCAGAGCTTTACGGTCTGGATATATTGGCGAATGGAATAACTCG

>trans_s_8327 XM_001700723|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CAAAAGTCCACTCCTCCTATATAATATCGCTTTCCCGAGTCCGACTATCCACTGAACTGCTTAGGTCGTCGCC
GCTGCTCCGCCGATTGCGGGGTCTGCTCGCCGACCTCCCCGCGTTCTCTTCT

>trans_s_8328 NM_001065522|Oryza sativa Japonica Group Os07g0169700 (Os07g0169700) mRNA, complete cds

ATCCAATTGATCAAGATGCACACGTCTTCGATGCGAAGCGCAGCCCCATGTCCTCTAGTGGGCGCGGCTCACC
CTACCGCTCGGACAACCGCTCGCCTCCAACGGCAGGAGGTCCAGGCGGTCCG

>trans_s_8329 NM_118203|Arabidopsis thaliana TPP2 (TRIPEPTIDYL PEPTIDASE II); tripeptidyl-peptidase (TPP2) mRNA, complete cds

ACGAACCTCCTAAGACGAGGATCCCTTCAGATTTGGGTCCTCCACCTTGGTGTGTTTCTGATCAAACATCAAGAACCTTAACAGCCTTGGCAATCTCCTCCTGATTCTTTTCATCCCAATCCTTC

>trans_s_8330 AF537390|Euphorbia rossiana var. nov. Steinmann 1199 internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

AAGGCTTCCCATGAGTAGTCCGGCGCATATCACTTTGCGGGTGACACAGAGTACATTACAACCAGTGAACACAGGTACCTCAATTACCTATTCAATATGATCATGTGTCCTCGTTCCAGATTTTCT

>trans_s_8331 NM_119238|Arabidopsis thaliana cytosol aminopeptidase family protein (AT4G30910) mRNA, complete cds

GTGACAGAGAAAGATGTGGCTAAGGATGAAAATTCCAAGTTTAAGAATCCAATTTTGAATAAGCTAGACTCACGCTTGGGCGGATACAACCGACTTCGAAGACGACTCCTTCTAAAGTGGCCTTTT

>trans_s_8332 NM_001084648|Arabidopsis thaliana heat shock protein binding / unfolded protein binding (AT3G06778) mRNA, complete cds

AAAAGCGTATGACGTTGTACCTGAACATAAAGAGTTGGATGAGAACCTCATCTCTGGGATTCAAGAACTTAAAGAGCTGAATGTGAACCTCATTTCTGGGATTAAATTTTCGAACCTCCTCGGTTTCG

>trans_s_8333 NM_001112507|Zea mays lipoxxygenase9 (lox9), mRNA gb|DQ335767.1| Zea mays lipoxxygenase (LOX9) mRNA, complete cds

GAAGCTCCCACTGCCAAGAGTTGTGAGTGAATCCAGCCAAGGACTGCTAAGATACAACACACCCAAGATCCTTCCAAGGACAAGTTTGCCTGGCTGCGAGATGACGAATTCGTTTATCTTCGTTAG

>trans_s_8334 FN563085|Nephroselmis rotunda plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain M0932

CTAGTGACCGATAGTGAACCAGTACCGTGAGGGAAAGGTGAAAAGCACCCCGGAAGGGGAGTGAAATAGAACCTGAAACCGTGTGCCTACAAGTAGTCGAAGCCCGCAATGCACAGCCCGGACATG

>trans_s_8335 NM_001057243|Oryza sativa Japonica Group Os03g0628800 (Os03g0628800) mRNA, complete cds

AAGCAATTAACCTCCATGGGTTGTCCTGATGACATGCTTCAAACCTCCGAACCTGTACACCAATCATCGACGGACGCAGCATCCTCATTGTTGGTGACTGCACTAAACGAAGGTAGAGACGTGATCAT

>trans_s_8336 U81289|Pisum sativum NAP1Ps mRNA, complete cds

AAGAGCCTCTATGGAGTAGAATTCATGATCCTTCTTCTGCTGAGAGCGGAACCGAGATCTGAGACATTGAAGTTGTCCTTGTTGTTACTCATTGAGAATAGTGATGAGTAGAGAAGGAAGGGAAGG

>trans_s_8337 GQ487332|Cucumis sativus metallothionein-like protein type 3 (MTP-3) mRNA, complete cds

AATCTTAGGAAACGTCTGCTGAATTTATGCGCTGTCCATAAACAAGTGTCATGTAATGTTGGTCACTTGTGTCATGGAGTTAATGGATAAGTTATACTAGTACACAGGAGCAAGGTCTAAAAAGA

>trans_s_8338 AC069558|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T5G13 From Chromosome IV, complete sequence

ACAAAAATTCTCCATCTTTCCCACCACACAGGAAACCAGTCATGGAATGAAGTTGGGGTTCAGATGAAGGTGA
ATCTAAAGTCTTACGAGTGTAGTAATCAACATATTACAGGGTGTTATTGAACTG

>trans_s_8339 EF635995|Solanum tuberosum glutaredoxin (GRX1) mRNA, complete cds

GAACGGATGTTGGAAGTGGTTCTGAGCAGGAATTGACATTGTTGTATCCATTACATCGTCCACTAGTGTGATT
CAGAGGAAGATTAAACGGCAGTATGATGAGCTCATGAAGTGTGAGGAACTGGG

>trans_s_8340 XM_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

TACAAATGTCAAGCCACCAGCCACACATCAAGGGGAATACCCCAAGTTCTATGACCAAGAGAAAAGCAACCTT
AACCATGGTCATCAATGCCTCATTGCTGCCATGAACTGCCTAAGGAGAGAAGG

>trans_s_8341 EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA,
complete cds

CCGGCTCTGGAAAGAAGCAACAATTGGCTTCTCTTTGTGAAACACTTTCTGGGTCAGCTGGCAGGGGTTTCGA
TCCTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGTAAGT

>trans_s_8342 EU812234|Vitis vinifera MLO-like protein 3 (MLO3) mRNA, complete cds

TTCGTGTCGGCATATGGAATCCATCAGCTCCATATTTTCATCTTCGTCTTGGCTGTCTTCCATGTCCTATATTGCA
TCATCACTTTGGCTTTGGCAGAACAAAGATGAGCAAACGGAAGGCCCAA

>trans_s_8343 NM_001069221|Oryza sativa Japonica Group Os09g0252700 (Os09g0252700)
mRNA, partial cds

TGATGCTTCAGGATCGTTATCTAGTGGGCTTGATGAACTAATGCGTCATGCATCTTCTCTCCGTGGGCCTGGAG
TGGATATGTTGATAGAAATCTTGAGTTCATAGTAAAAATTGTCGAAAATTTT

>trans_s_8344 NM_125854|Arabidopsis thaliana AAA-type ATPase family protein (AT5G64580)
mRNA, complete cds

GCATCGACCGCACATGACGCCGAAAATGATTTCGTTCTTCGCACTTCCACCTGTTTCATCCTTGTAATAAGGT
AAAATGACTGACATTGTCTGACCGTAATTTGAGTATTCAACAACTGGACATT

>trans_s_8345 CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

TGAAGATGTTCCCTGCGAACACGAGGAGCTTCACTGCGGAGATGAGCGCTCTGATTCAAACCTTTGAGAGAAA
TCAATGGAATCTCGCAACAGGCTTCAGGTAAACAACCTGGTCAAACATTTCTCCA

>trans_s_8346 NM_001160787|Arabidopsis thaliana NAD-dependent epimerase/dehydratase
family protein (AT4G20460) mRNA, complete cds

TTTAAGTGTGAGGCATGTTGTGAGGAGCAACACCAGGTGCAGGCTGCATCGTAATGGACAAAGGGACAAGA
AAAGAAATCTGCTTAGTGTGGGGGAGAAGGAGAAAGAAGAAGAGAGTTTTGGGTGT

>trans_s_8347 HM536196|Camellia sinensis var. assamica lycopene epsilon cyclase (LYCE) mRNA, complete cds

GAGAAGGATTTCGACACGACGAAGATTATATCAAGGGCGGTGGCTCTGAGCTTCTGTTTGTCAAATGCAGC
AGAACAAGACGATGGAGATGCAGTCCAAGCTCGCTGACGAGAGCAGATGTTATAC

>trans_s_8348 NM_103237|Arabidopsis thaliana diene lactone hydrolase family protein (AT1G35420) mRNA, complete cds

GAGTCCCAGTAGTGACCACAGGTGTCCAGTGAGTGTCATGAAGGATTTGGAGAAAGGGATGGGAGAAGGTT
CCAAGTTAGTGATATTTGAAGGAAGAGGCCATGGCTTTGTTCAATCCACCTAGA

>trans_s_8349 XM_002309102|Populus trichocarpa Ca²⁺ antiporter/cation exchanger, mRNA

ATCGCGATAATATTTACCTTTAAGCTCTGAAGATTGCTTGGTTTGAAGATTGGAGTCCCAAGTTGGGAGCATT
GTTATTACCCCTCTGTGTCTTGGAACAAAGAAGCAAGCAGCAATGATAATGTA

>trans_s_8350 XM_002304284|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

AAGCGGGAATCGGACTTTCAGGGTTATACCCGCCTTCAATGTCCATGTAAGCCAGGCACAAAGTTCGAAGAG
CTTCGCCCGCTTTATCTTCGATGGTTTCCTTCAAAAAGTTGATGGACTCTTCATT

>trans_s_8351 FJ822036|Glycine max cultivar Sinpaldal 2 DnaJ-like protein (DnaJ) mRNA, complete cds

TTCGTCATCGTCGTCAAGATCATAGAACCCAGCATCATACATTGCTCTCTTCCTCTGGTCCGACAAAAGTGAAT
AAGCTTGTTGAATCTGCTGGAATTTGGCTTTGGCTTCACTCAACAAAGCAGGG

>trans_s_8352 EF446145|Cucumis sativus elongation factor 1-alpha (EF1) mRNA, partial cds

TCTGCTGCTGCAACAAGATGGATGCCACCACTCCCAAATACTCCAAGGCAAGGTACGATGAAATCGTGAAGG
AAGTCTCATCTTACCTCACTCCTGTCTGGATACACAACTCACCCCGAAAAGGAAC

>trans_s_8353 NM_001072805|Oryza sativa Japonica Group Os12g0170700 (Os12g0170700) mRNA, complete cds

CGCGTTTACAGATACTAGATCTTGTTCATTACTTGCTCAATTGTATTTTCATGGAGAACTTCCAGTTACTTTGT
CGTACGCACAGGCATCTGTGTTGCTCTGTACTGGACTGCACACACTTCGCAT

>trans_s_8354 NM_127879|Arabidopsis thaliana NRAMP3 (NATURAL RESISTANCE-ASSOCIATED MACROPHAGE PROTEIN 3); inorganic anion transmembrane transporter/ manganese ion transmem> (NRAMP3) mRNA, complete cds

AAGTCATTGGGAGTGCTATTGCTATTAAGATTCTGAGTAATGGAGCTTGCCTCTCTGGGCCGGAGTTATCATC
ACTGCTTTAGATTGTTTTATTTCTGTTTCTTGAGAATTATGGTGTGAGAAC

>trans_s_8355 AB012080|Cucumis sativus CRR72 mRNA, partial sequence

TCATTAGTGTGTAAAGTTGTACATAGAAGAGTCGATGAAATGGCATGATGGGGTTTGTCTTATCGAGTCCTT
TTGTTATTGTTGTTGTTTCATCAAATCATCTCAAGAAGAGCGCTCTCACGATGCC

>trans_s_8356 FN811156|Camelina sativa partial tub9 gene for beta-tubulin, exons 1-3, isolate CstUB9

CATACTCTCGACCCGTTGGACCCGACAACCCTCTTGGAGTGGTGAGCTTGAGAGTACGGAAGCAGATATCATA
AAGAGCTTCGTTGTCAAGAACCATGCACTCATCTGCATTTTCAACTAGTTGATG

>trans_s_8357 NM_001065522|Oryza sativa Japonica Group Os07g0169700 (Os07g0169700)
mRNA, complete cds

ATCCAATTGATCAAGATGCACACGTCTTCGATGCGAAGCGCAGCCCCATGTCCTCTAGTGGGCGCGGCTCACC
CTACCGCCTCGGACAACCGCCTCGCCTCCAACGGCAGGAGGTCCAGGCGGTCCG

>trans_s_8358 CT029918|Poplar cDNA sequences

CCGTCACTCTCGTGACGCCACAGCTCTTGCAACATCTTCAGTCGTCTGGAGGAAAAGTGAAGCACCCCAACCA
GGGCTCCCCGTCTCTCGTTCTTATCCATCACTAAAACCCTTCTCCTCTCCTCT

>trans_s_8359 NM_001050592|Oryza sativa Japonica Group Os01g0714100 (Os01g0714100)
mRNA, complete cds

CCCCAGAGTTTCTTATTGGGCTCAGTTTTGATACCCGAGAGATGAACTTCTGTGATTCTGAACTGAGGAATGCC
TTGTTGTTGTTTCTGAGAAGCTTTCTCCTCCGGTTCTTCCTTTATCTCTACTCTTG

>trans_s_8360 NM_128197|Arabidopsis thaliana ATARD3 (ACIREDUCTONE DIOXYGENASE 3);
acireductone dioxygenase [iron(II)-requiring]/ heteroglycan binding / metal ion binding (ATARD3)
mRNA, complete cds

TCACATTTCCCTTTTTTCTTCTTCATTTACTCACACTTCCCGTCTCCTTTCACTACCCGCACTCCTTTTCCGATCC
GCTGCCACTTCAGGAGGGGAGGTTATCTAGTTTCCTTTTAAGTGGTACA

>trans_s_8361 AB252057|Brassica napus gene for 16S rRNA, partial sequence

GAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAACGCGAAGAACCTTACCTGGCCTTGACATACAGAGAACTTTCCAGAGAT
GGATTGGTGCCTTCGGGAACCTTACATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTC

>trans_s_8362 NM_128573|Arabidopsis thaliana [acyl-carrier-protein] S-malonyltransferase/
binding / catalytic/ transferase (AT2G30200) mRNA, complete cds

TCTGTTGATGTCACTTGTGGTCTAAGCTTGGGAGAGTATACTGCTCTAGCATTTGCAGGGGCTTTCAGTTTTGA
GGATGGACTCAGGCTGGTCAAACCTGAGGGGCGAGGCGGCATGGGCAGTCATCA

>trans_s_8363 FJ708672|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

GAACCAAAAGCTATCTTCGAGTGACTTAAAGCACAAATCATCTCGAAAACTTTGCTGACGACCTTTCTTGAAA
TCGAGAGCCCCGATGGTTCCCTCCTTCCATCTGCAAGATAAAAGGAAAGTCGT

>trans_s_8364 XM_001696972|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CGGATGGCAGCAAGTGGACAGTGAGATGATGTCAATGTTAATCAGATGGAAATGATGTACAGGAATCTAGG
GTTAGACGATCAAGAAATGTATGTCTTATGGACAGAACTAAAGCCACCTCGTCCCCG

>trans_s_8365 Novel Gene

ATTTGTTTTCTATTCAATTTTCATGCTAGATTTTACGATTAGGTTGATTTTCTGTTCTAGATTGTAATTGATGGT
TAGGGTTAGCTTTTTCTCCATTCCTTCTGGAATCTGTTTCTTGACCCCTA

>trans_s_8366 Novel Gene

ACTTGGTTTCTGCATAGCCTTTTGAATAACCAGAAGGTGCTAATTATTTTCCACACCGTTTGGTTCAGACAAA
GGCTTATATCAATTGATCGGATATATTATAATAAGGCGATATAGGCCGCATTA

>trans_s_8367 EF527462|Gratiola virginiana voucher Estes 06875 TENN NADH dehydrogenase F
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

ACCAACCTACGATCGGCCCACTCAATGTAAACCTTCTTAATCTACATGTTGTCAAGGAAAATATTATCAAATC
TCTACGATGACTGTAAAAACCATGTAACCATGACCACTAAGTCCGAGATCGC

>trans_s_8368 AF206628|Cucumis melo sec13-like protein mRNA, partial cds

TGGACACTCAAAGATGGAAGCTGGAGGAGGGATTCTCCCTTTCCCTTCAGATGCACACTGATTGGGTGAGG
GACGTGGCTTGGTCACCAAACCTAGGGCTTCCGGGGCTTGTGCCATGGACAACC

>trans_s_8369 X79604|V.unguiculata (Red Caloona) AKCS9 mRNA

GTTCTTGGCAGAGTTCGTGTTGCAGAGGCGGTGAGTTGCAACCCTGTGGAGCTGAGCTCATGTTCCGGGGCA
ATCACGTCGGGGACGAACCCATCCAGCAAAACGACGTTGTTTTGAACACTACCC

>trans_s_8370 AL161494|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 6

GGCCAATGAACACAATGGAATGATGAGTTTAAATGCGATGAATGGTAAGAAAGGTGGGGATGGAGGTAATG
CAAAGAAGGGTGAAGTTATTGACTTTCCTATTATGATGAAGAGTAAGGGAGGAGGT

>trans_s_8371 XM_002875811|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata bundle-sheath defective protein 2
family, mRNA

TCATATAATTCTCAAGGCAGCTAAGAATGATCGGAATACCAAACCTAATAGTGTGATTTGTGGCGATTGCGAT
GGAAATGGTGCTGTTCTTTGCTCACAATGTAAAGGAAATGGAGTTAATGCCGTG

>trans_s_8372 EU016365|Vitis vinifera neutral invertase (NIN1) mRNA, complete cds

GTAAAAGGGAACAACACCACCAGAGTCGACTGGTGCAACACGACCAATGGCAGATTACCAAAAATCAGGATC
AAGAACTTCCTCGAAAGCTCCATCGCTTCCATCAAGAGGTTGGCTTCTGACTTTG

>trans_s_8373 XM_002301328|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR958), mRNA

TGGGAACAACCTTCTCAGTCACCTGGTTCCTCACATTTGCCTCAGCAAGCGAGGAAATTCATTGATCTAGCTC
AACAGCATCATGGTACATCTCAGGAGGGCCAAAACAGGAGCCCTCCAGAACTC

>trans_s_8374 AF400924|Mitthyridium sp. Streimann 40876 isolate M342 glyceraldehyde 3-
phosphate dehydrogenase gene, partial cds

AGAAGTTTTGTAATTCATGAGTCCGACCTATCCACAGATGAATATGGATCAAAGAGGTCATTCTGACCCGTCG
GACTTGTTTCATTCCGAATCCACGAACATTATGGGGGCCTTGGCCTAGCTTACTA

>trans_s_8375 XM_001691864|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GCGCCGTATCTGGTTTGTGAGTAAAACCATATCTGGTTACGACAATTGGGCACTCACATCTCTTCCAATCTGAT
CCCTAGATTGGCGAGGCTTCCCATGAGTAGTCCGGGCGTATAGTGAAACGCCC

>trans_s_8376 NM_001066621|Oryza sativa Japonica Group Os07g0576600 (Os07g0576600)
mRNA, complete cds

AAGCCTGCTAGAGGGAATTGGCGAGAAGCTCCACATTGGAGGCGATCACAAGGGAGAGCACCACGACGCTC
ACAAGGGTGAGCATCACGACGAACACAAGAAGCACGAGACTCCCTCTTGGACCAGA

>trans_s_8377 AY396215|Acanthosicyos naudinianus Ycf5 (ycf5) gene, partial cds; chloroplast

AAAATAGTTCCTTCGTTGATGTATTGGATCTCATCAAAGGAAAATAACGCATTTAATAAATTATTGTTTTTACC
AAAAATTCTATATCGAAAATGAAATGTAATCACTATATAAATGCATCCCTTC

>trans_s_8378 AM999968|Scirpus sylvaticus chloroplast partial ndhF gene for NADH
dehydrogenase subunit F

CATCAAAAGAGCTGCCACAGTCATCTGAAGAACATACTGATAGATGAGAGCCCGATTAAACGATAGAGCTACA
GAAAGATAATGGTGTGACAATGGTTCTACCTCAATAACTGTTGGCTTGCGTGTTT

>trans_s_8379 NM_001187227|Oryza sativa Japonica Group Os04g0688000 (Os04g0688000)
mRNA, complete cds

ATGCCTGCCACTGATTTTCAAGGTTCTTCCTCGCCGTTAACCAACATTGGCCGTTCCATCTTCAGTCTCCGCCGC
GATCAAGTTTCATTCCATGAGGAAAAACCTCTGTAGTAATCGATGGGGTCTGA

>trans_s_8380 AB025005|Cicer arietinum mRNA for pyruvate kinase, partial cds

CCAGAAGAGGTGTTTTTGTTCAGAAAACCTGCCCCTTATAGATGTAATATGGCTGGAAAGCCTGCTGTTTTAAC
TCGTGTGGTAGACAGCATGACTAACAACTTGAGACCTACCCGTGTGACACCTA

>trans_s_8381 EU407180|Cucumis sativus cytosolic superoxide dismutase (SOD) mRNA, complete
cds

ATGGAGACCCTGATGATCTTGGCAAGGGTGGACATGAACTCAGCTTAAGTACAGGAAATGCTGGTGCTAGAG
TAGCCTGTGGCATTATTGGTCTGCAAGTGGCCTCGGGTGGTAAGGATGGTAACAA

>trans_s_8382 NM_001059413|Oryza sativa Japonica Group Os04g0441900 (Os04g0441900)
mRNA, partial cds

TTGATCGAATATCTCGGGTAGCCAAAACCTCGTTGAAGAAAATGGTTGGATAGTAGTTTCCTGTAGTGGGCTCA
ACATTCAAGTAAGGAGCAATATTTGGTGGAAACGCCATTATGAGCATATCGTGTA

>trans_s_8383 U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

AACACACATGCTATCGAACCACAGTCACTTGTAGAGTTTTTTGGTACCTTGTCTCGTGAGTGGGCTTTGGAGTG
TATGAAGGACCTTTTGCTTGTGAATCTCAGAGACAACCTTCAGATTATTGTGC

>trans_s_8384 GQ997230|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

TAATTACTTTGGTAATGGCAATTGGAATTATTAATACTCCATTTATTTATTATCTATGTTACGCCAGATGTTCTA
TGGATACAAGCTTTTAAATGCTTTTTTAAGAATAAAAAAACTAAGCCCAA

>trans_s_8385 CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

AGCTGGTCCCTCCGAAGTTTTTCTTCTCCGTTAGTGTGTTTGTATGTGGGAAATGCAACCGTAACGATAAAT
AGTGCTTTCTCTGTTTTGCCTATTATCTTTGTAATTGTAATACGCACCCCTG

>trans_s_8386 GQ997993|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 ribosomal protein
S2 (rps2) gene, complete cds; chloroplast

CGAAAAGGGATGCCGCTATGTTGAAGAGACAATTATCTCACTTGCAAACATATCTGGGCGGGATTAAATATAT
GACGGGGTTACCCGATGTTGTAATAATCGTTGATCAACAAGAAGTTTGCTAAAT

>trans_s_8387 XM_001699833|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AAATGAAGTTAAGGAACCAAATGATGAGCGTCTCCAAAGAAGACGTAACCATGATGCAGACCTAATAGCTTT
TAGCAACTGTGGATTAATTTTGGTCGCAATGGTTCTACCGCCACCACACAACA

>trans_s_8388 X06595|Tobacco mtDNA for ATPase subunit 6

CCAGCATCTTTCTTTCTCCCATGCTTTCCGTTGGTCAACAACCAACCACTGCTCTCTATAGTTCTTCACTACTCGT
ACAGGAAGGATTTCTGTCTGGAGGGAATTGGATTGAGAAAAGAGGAGGGCC

>trans_s_8389 NM_001188003|Oryza sativa Japonica Group Os06g0648100 (Os06g0648100)
mRNA, complete cds

GACACAGGTGGTGCATGGCGATGAGGATGAAGCAAAATACTATTAATCCAACACTTGATCTGAGATAATCTAT
TCGTTTATCTTTTGATGTTATGTGTAGCTTCTGAATCTAATGGCTCATTAATC

>trans_s_8390 DQ011576|Euphorbia characias polyubiquitin mRNA, complete cds

ACTCCCAAGACTTTCCGACACCATCGACAACGTCAAGGCCAAAATCCAGGATAAGGAAGGGATTCCCCCGGAT
CAGCAACGATTGATCTTCGCCGGCAAGCACAGGTCTTCGTTAATCCCTCCCCGG

>trans_s_8391 NM_001123829|Arabidopsis thaliana UBP1B (oligouridylation binding protein 1B);
mRNA 3'-UTR binding (UBP1B) mRNA, complete cds

TCTTATTAACGCTACTAATATCTGCGATCAAAATAGTGAATAAATCCATAGGATGACTTCTCCTTTCTTACAAGC
TTACAGCCTTCAACAGGACCAATACTACCAAAAACCTCTGAAGAAGTGTT

>trans_s_8392 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CCCCCGGAAAAAGGGCCTGTTTCAATTCTGGGAATAAAAAATGATATCCAGAGAAATACAGCATTTTACAATGG
AAATAAGGTGAAAACAGATGATCACTTTTGTAGATAAAACAGACACAAGTGCGAA

>trans_s_8393 XM_002318668|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE913), mRNA

GCTTAGGGCTTCCAATGACGAGCTTCTACAAACTTCACAGAGGAGTCGAGCCCAGAACATTCTCAGAATGGA
TTTGGCAGTTTCAAACCTCAAGGTAGTAACCCCTTAGAACAACTTGGTTTGTAC

>trans_s_8394 AF260734|Cucurbita pepo chloroplast NADP-dependent glyceraldehyde 3-phosphate dehydrogenase B subunit (GapB) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

AATGTTTCAGTTGTTGATCTCGTTGTGAACATTGAGAAGAAAGGCATCTCCGCAGACGATGTCAATGCTGCTTT
CAGAAAGGCAGCTGATGGACCGTTGAAGGGTGTGGCTCACACACACTGTAGG

>trans_s_8395 AM990402|Lembophyllum divulsum chloroplast rps4 gene (partial), tRNA-Thr gene, tRNA-Leu gene and tRNA-Phe gene (partial), isolate B295

AAAATTACTTTTGTGTAAGTGATATAAGAAGTTTTTTTATTGCAATATTTTGCGGCATGACGCTAATTTCAATT
CTTTTGTATTTTGATTCCGATTGTATCTACGACGTTGTACCCAACCCATAA

>trans_s_8396 FJ882980|Fragaria x ananassa blue light photoreceptor mRNA, partial cds

AAACCTCAGCTTTTGCTTCCAACAGCAAATGAGAAGAAAAACAATCAAAAGCTCAACAGACTCCGATCTTTAT
GGCCGAACCAATGCGAGCTTCGAACTCCTTTGTTGGTTGACTTCTCATATATC

>trans_s_8397 Novel Gene

TTTCTTTTTCCTTTTGTGATTTTTAGTTGTGTCTGTGTAAATCGGTGTTGGTTCTGTGACTGATCTTATGTTTC
CTTGTTTTTTTCATCAGATCACCGATAGCTACAGGGTTAGAAGGTCGAGA

>trans_s_8398 EU103627|Zygophyllum xanthoxylum vacuolar H⁺-pyrophosphatase (VP1-3) mRNA, partial cds

CAGCTGTGATTGCTGATAATGTGGGTGACAACGTTGGGGATATTGCGGGTATGGGATCTGATCTTTTTGGTTC
ATATGCTGAGTCATCCTGTGCTGCTCTCGTTGTTGCTTCTATCTCTCTTCG

>trans_s_8399 Novel Gene

AAGGCTAACAAGCTATTATCATCAACAAAAGAGCTTACATTCTCAAATATCATTGAAATGGCAATGTCAAGGTC
TCAATTGAAGTTGACTAGGGACGAGACCGAGAGAGAGAAGAGGCTCGTGTCGT

>trans_s_8400 NM_001053763|Oryza sativa Japonica Group Os02g0579000 (Os02g0579000) mRNA, complete cds

AATGAAATAACCCCATCTTTGTGTCGCCAGGCCAGGTGCGCGCTAGGGTCAGCCAAGGGGAGGGCTGCGG
GAAAAAGAGAGAGGTGGAGCGGACGCAGCGCACAGGCGGCAAGGCCCCGGTATGAG

>trans_s_8401 EF416033|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 036BT34M23-272.4 genomic sequence

AAAGCATCTAAGCGGGAAGCCTACCTCAAGATAAGATTTCCCTAGAGAAAATGTCCTCTAAAGAGCCGTTCTGA
GACTAGGACGTTGATAGGTTGGGTGTGGAAGCCGCTACTATACACTTCGACTCC

>trans_s_8402 NM_115342|Arabidopsis thaliana PUB14; ubiquitin-protein ligase (PUB14) mRNA, complete cds

TATGACAGAAGATATTGAAGCAGCGCTCAGCAAGCTTCCCATTGACAAGCTTGGGATCTCGGACGAGGTTTCG
GGAACAGACTGAACTTGTTTCATGCGCACGGACCCATCTACCCCTCTATCTGCCTC

>trans_s_8403 NM_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA, complete cds

GCTCAGTGGGGAACCATGTGGATTATGATGAGAAGAGAGAAGAGAGATCGTCGGCATTTCAGAGAATGCG
TTTTCCACCATTGATGATGAGGAACCTCCACTAGATTATGGCGACCATGTACGAC

>trans_s_8404 DQ629315|Blechnum gibbum large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GGCACTCAAAATGTGCTAACGAAAAGATACCTTATTCCGAGAAAGGAAACCTTTGCTTTAAGTTGTGGACGAA
GCGGAAGCGAGAATGTGCGCTTGAGTAACGCAAATATTGGTGGAGCGGGTATTA

>trans_s_8405 GQ997364|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 ribosomal protein S15 (rps15) gene, complete cds; chloroplast

TTATGGTAAAAAATTCATTTCAGCTCAGTTATTTTCGCAAGAAGAAAAAAGAAAAATGGAGGATCTGTTGAATT
TCATCATCAGTCAAAGTGGTTATTCTATGCTTCTGAATGAAGTGTGTTTGAAT

>trans_s_8406 NM_001069758|Oryza sativa Japonica Group Os09g0425900 (Os09g0425900) mRNA, complete cds

CCCTCTGCACTCAGATTGTGCGCAGAACAACCTGGCTACAGAATCGCGTCAGGAACAACAAGATTGGAACAG
AATCAGAAGCTGTTTAGTCGACAATGGAACCTCACATTGAATTCAACCAGAAACC

>trans_s_8407 EF675992|Chlamydomonas reinhardtii UNI2 (UNI2) gene, complete cds

AGGAATCTGGAGGGCCCAGATAGAACAAAAAGACAAACAGTTAGGTAAATGGGGGCAGGAGCAATCATGAT
CGGGGCATCTACTACTCTTAGTTTCAACTGATTTTATTCGAAAAATGAATTAGAA

>trans_s_8408 EF151160|Populus tremula x Populus tremuloides xyloglucan endotransglycosylase precursor, mRNA, complete cds

TTTGTGGCATCTTACAAGGGCTTTGAAATCGATGCATGTGAGTGCCCTTCTTCTTATGCCACTGGAGGAGGAG
TTGCCAACAACTGCTTGTTGTAATGGTAGTGCCGCCGATGATGGCGGAGGA

>trans_s_8409 GU732482|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D58) mRNA, complete cds

TCCTTCTCTGCTTCTGCGACTACTTCTCCCTCAGTTCTTCCAGTACCGACGCAATTTCTCTCCCTCTGTTTTTGA
AACTTGTAGCGTTTGTCAAATCGAAGGTTGTTTAGGATGCATAAAGATT

>trans_s_8410 DQ359730|Nicotiana attenuata JAR1-like protein (JAR6) mRNA, complete cds

CATGATGATTTGGAGTCATATATTCAGAGAATTGCCGATGGGGATTCTTCGCCTATTCTCACTGGAAAACCAAT
CAAAACCATTTGTTGAGTTCTGGTACTACGTTCCCTCTTAAACCTGGCCGG

>trans_s_8411 GQ983727|Quintinia quatrefagesii photosystem II cp47 protein (psbB) gene, partial cds; photosystem II subunit T (psbT) and photosystem II subunit N (psbN) genes, complete cds; and photosystem II subunit H (psbH) gene, partial cds; chloroplast

TGGAACATATGTGGTATGGTTCAGCAACTACCCCGATTGAGCCGCCCAAATTTGTCTACCGCTGGCAAAGCTGA
AAGCGTCCTTGATGGAGGGCGCGCTAGGAGACCGACGTAAACCGATTAGGGG

>trans_s_8412 AM777385|Lolium perenne complete chloroplast genome

TCATGCCCCCTTATGCCCTGGGCGACACACGTGCTACCTTAGTATCTTTATTTTTATTTTGTGAATGTAATTTGAC
TGATCATATTCTTTGTATTTATGACTCCAATTTTATATTATAGGCGCGG

>trans_s_8413 AB435243|Cucurbita maxima CmPhoL1 mRNA for alpha-1,4-glucan phosphorylase L isozyme, complete cds

AGGTGGAATGCAAAGACATTCAGGATAAGAAAGTGGAACCTACCTACCACTGCCCACCGCCGAAGATGG
TTCGAATGGCTAATCTATGTGTTGTAGGTGGTCATGCACAATTGCCCCAACGTG

>trans_s_8414 GQ232757|Allium cepa GIGANTEA (Glb) mRNA, complete cds

TTCAGCCGTATTAATCCCGCAATATCCTCAGGGAATTGTTCCGATGTGAACTGACCCAAGCATTCTACATACGT
AGTGATTTTCAGCTTTTGGGGTGTGCTCATCTCGAGGTGGAGTCCAAAACAAA

>trans_s_8415 NM_001067197|Oryza sativa Japonica Group Os07g0682700 (Os07g0682700)
mRNA, complete cds

TCACCCCGCTTAGAATCGAACCGATCTCGTTACCGAGTCCGTATTTCTACGGCGATGGCCCGAGGACTTTCCT
GAGTCTGACTTCTAAATTGAAGGTTGACCCAATCACTCTATCCCACGGCGC

>trans_s_8416 DQ369883|Zea mays cultivar line X22 waxy gene, partial sequence

GCCCTAGACTCGTACAATCCTCGGGAGTCGGAAATGATCGGACGTGGTGTGATGTTTGTGACACTATGGCG
CAGATTTTCATCATCGCAACCAAGTTCGTTTAGGATTGGTGTGGTTCCTCTACG

>trans_s_8417 NM_001051683|Oryza sativa Japonica Group Os01g0909200 (Os01g0909200)
mRNA, complete cds

CTCCCCGGGCGTCGAACAGTCAACTCAGAGTCTCACTCACAGAAAGAGAGGACTCTTGAGGAAAGGACT
GACTCTGTGTTTTAGTCTAAGTGCTCCGTCTATTCTCTTTTTTCAGACCTTCC

>trans_s_8418 AB331307|Aletis rigida chloroplast rpl2, trnH, psbA genes, partial cds and complete
sequence

GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGATTGTGAATCCACCATGCGCGGGTTCAATTCCTGTTCAAG
CCACTACGCCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTGTGAATGG

>trans_s_8419 NM_001052869|Oryza sativa Japonica Group Os02g0224300 (Os02g0224300)
mRNA, complete cds

CGGCTGCCTGTTGTTGCTGTGGAGCCTGTTGACCGTAGTAATCATAACCACTTCCTTGAGTAGCAGGTTGATTT
GGCGGAATGGTAGACTGGTCCCAATTGGAAGCATATCCACCAGATGCTGGTT

>trans_s_8420 NM_101367|Arabidopsis thaliana CPN10 (CHAPERONIN 10); chaperone binding (CPN10) mRNA, complete cds

GGCATTTTGCTTCTGAGAAAGTCCAGTAAGCTCAACTCTGGAAAAGTTATCGCGGTTGGTCCTGGGGCTCGTG
ACAGAGAGGGGAAAGATTATTCCTATCTCTGATTTCTCCTTCAGTGAGCAGGAG

>trans_s_8421 Novel Gene

TCTGTCGAGACTGGACATGCTGCGATCGATCTCCGTTTGACGAAAGGGCTCGTCCCATAACAATGACGGTGTT
TCGGTTGCAATGTTACGTGGGTTACACAATGCTCACGCTAGATATATGTACA

>trans_s_8422 NM_001186130|Oryza sativa Japonica Group Os02g0599700 (Os02g0599700)
mRNA, complete cds

TGTTGTGTTGTGTTACATGCACACGTGCGCCACCTGAGCGCCACCGTGTCCGTCATACACTGCAAAAAAATTGT
ACTTTTCATCATTAATCGCCGTCAATCCCAATTCCACTCTCACTTCATCTTC

>trans_s_8423 Novel Gene

CGGACCAAGGAGTCTGACTACACACGCGTATCACTACTACTAAATTTGCACACCGATCAACTTATGACTGGAA
TATCAACCTCCTACTCATACTGAATGAGAACCTGTGGAGTTCGAGAGCAGAAT

>trans_s_8424 NM_001050069|Oryza sativa Japonica Group Os01g0607900 (Os01g0607900)
mRNA, complete cds

AGTCTTCTTCTTCTATCTCGTTCTACAACCTCAGTCGACTCAATTTTCATCTTTCCTTCCAGTCTAGGCTTTTTCTT
AGAGCTGAGCATAGTCAGATTGATAATAGAGCCCCCTCACTGCTAAAAC

>trans_s_8425 GU011741|Tabebuia rosea microsatellite D116_M13R_seg53 sequence

TGGTAGTGGTGGGAAGGATTCATGGTGGTGGAGGATCTGATGGTGGCGATGATTGGAGTTTTGGGTTTGGAG
ATTCGAATCATGGGAATGAGAGTACGGATTTGTATTATCAAAAAAACCGAAGGGC

>trans_s_8426 FJ708709|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

TGAGGGGTTTGATCACTTTTTTGAGAGGGAACTTGAAATTCCTGGAAGTTTGAAGCATCGCTACCTTGTTAATT
TGAGAGGATATTGCAACTCTCCACATCAAACTATTGATTTATGATTATCT

>trans_s_8427 GQ232757|Allium cepa GIGANTEA (Glb) mRNA, complete cds

TTCAGCCGTATTAATCCCGCAATATCCTCAGGGAATTGTTCCGATGTGAACTGACCCAAGCATTCTACATACGT
AGTGATTTTCAGCTTTTGGGGTGTGCTCATCTCGAGGTGGAGTCCAAAACAAA

>trans_s_8428 AY055786|Arabidopsis thaliana AT5g20630/T1M15_30 mRNA, complete cds

CGAAAAAATGTTTCACTCCCTACTCATATTTCCCTCCTCTCTCTTTCCAATGCAGCTGTTCAAGATTTCTGT
GTTGCCGATCTGAAAGGTCCACAAGGTAAGACAGGGTATCTTCAATTCTA

>trans_s_8429 Novel Gene

TGGCTGGTGAAGGATTGCGGCTGAGACGAGTTGTTGGTAACTGAGATGCACATATTTATGTAAAGACTCTCG
GCTGTGTTAGAATGGTGTGTTTTGAGGCCCAAACCTGGGCTATATCACAGTAAAA

>trans_s_8430 DQ649300|Oryza sativa (indica cultivar-group) cultivar Hamsa U4 snRNA gene,
complete sequence

GAACAGCCCGGATACAACAGATTCTAAAAATAAATGAAATAGACTGTCGCCCTTCTTGCGAGGCGCGTCTATT
GCTGGTTGAAAACCTATTTCCAAACCCCTTCCCTTAAGTTTAGAAGGGGGGGA

>trans_s_8431 AY283056|Gossypium hirsutum central motor kinesin 1 (CMK1) mRNA, complete
cds

CACTTGCCACGCTAACACTACGAGGACGACTAGGTTAGGAGTGGCTGCCTGCTGCTAGCTACACTAAATTCAT
CCTCAAATGCTCTAGTACCACTTGAATGAATGGTGACGGCTCGAATGGTCT

>trans_s_8432 X64398|N.tabacum parC mRNA

GAGGTGAAAGTATGGGAATTATAGACATTGCTTTGATTGGATTTTACAGCTGGTTCTATACATATGAGACAAT
AGGGAAATTCAGCATTGAGGCCGAGTGTCCAAAGATAATAAGTTGGGGACCTC

>trans_s_8433 Novel Gene

TGTTCTCTGTCTCTCATTTTGCAAATTTCTCCTTCCATTACCTTTTTCTTGATGATATTTGGAAGAACCTCAAGG
TAGATCTAAAGCATAGTATGTTTTCTTCGACGAAGGGTTGGGAAAAATCT

>trans_s_8434 Novel Gene

AATTGTCTAGTCAGAACCGAAAAGAGAGAGGAGCGAGACTAAGAAGGAGAGGATCAAAGGAGAAGAATTT
GTGGAGAAGGTCCTTATCTCTTCTTTATGGGAGTGCAACTCAGAATGAGGAGACCC

>trans_s_8435 GQ227992|Camellia sinensis RAV transcription factor mRNA, complete cds

TCTCTCTTTAAATTTCCAATAATATGGACGGGATTTGCATTGACGAAACAACCTCCACCGAATCTAAATCTCCAC
CGCCGGACAACAGTCTCTGCCGCGTCGGAAGTGGCGTCACCAAGTGTGGTTC

>trans_s_8436 NM_001175286|Zea mays LOC100382552 (pco156020), mRNA

AAATATTCTCTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGAGCAATAATCTGGAGCTGATTCTGCAGGGGTTCCGCGCCTT
TCAGAAGAACCTCGTTTTACAAGGGTATCTCCCGCAAGGTCCCGATCCCGA

>trans_s_8437 XM_003081780|Ostreococcus tauri U5 snRNP spliceosome subunit (ISS)
(Ot11g00260) mRNA, complete cds

TCACCTTAATTATAACTTCAATCTGAAGCCAGTGAAGACTCTAACCACCAAAGAACGTAAGAAATCACGGTTCG
GAAATGCTTTTCACCTCTGTCGTGAACGCGGTATCGTGAGCTTCGAGCAACA

>trans_s_8438 XM_001691885|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GTGCAAAGGCAGAAGGGAGCCCACTCCGGGTGCGATCCGAACCGCGCGCAGGATAAGGCTCCACACCGGGG
TCCCAATCTACGGGTGTGGGGACGTACGTACATCTCCCCTAAAAGGTTAAATTC

>trans_s_8439 NM_001123745|Arabidopsis thaliana BGLU11 (BETA GLUCOSIDASE 11); catalytic/ cation binding / hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds (BGLU11) mRNA, complete cds

ACTTTTGTTCATCTGGACAACAGACAGGAGACACCGACGTGGGATGCAATCAATATCATAAATACAAGGAA
GATGTGAAGCTTATGGCAGATGTGGGACTTGAAGCTTATAGATTTTCCATCTCA

>trans_s_8440 EF543155|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D alpha (PLDa2) mRNA, complete cds

AAGCAGTTGGGTTTGGGAGAGGAATAACGAGGCTATATGCAACCATTGATCTTGAGAAAGCCAGAGTTGGAA
GAACAAGAAGGCTTGAAAGAGAACATTCAAATCCAAAATGGCGTAGGGTCCCTT

>trans_s_8441 XM_002305056|Populus trichocarpa glutamate-gated kainate-type ion channel receptor subunit GluR5, mRNA

ACCAAATTGGGAGAGAGCTCTCTTCGATTCTTGTGAGGTGAAATGGAGGAACTGGGGATGTTTTAGCAGCC
TCGTTTGAGCATTTTGTCTGGTGAAAGAGCCAGAGGGTGCCAAAAACACCACTC

>trans_s_8442 NM_124779|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family protein (AT5G54000) mRNA, complete cds

CAAGAAGAACTAAGAGGGTAAGGTTTGAATTCCTGAAAGGCATTTTATTTTTGAACAATTTTTGTGAAGGAT
GTTTGAGTCAATTTGTTGTTAATTGGGTGATATTTGACAGAGAAGGCAAAGT

>trans_s_8443 Novel Gene

ACCGTCCAGTCTAACTATCTTCTAATGGCAGGTCAGATTCTATCTTCTTCCTTCCGTGACGGACACACACTAG
TTGAGCCGATCACGCTTCTCGTACTGATCGCCGAGGCTCGGTCTGGGCTC

>trans_s_8444 AB197128|Setaria italica genes for 25S rRNA, IGS, 17S rRNA, partial and complete sequence

AGGGAGAAGCCCCTGGGAGCTGGCTGGCGGATTGCAATGTCACCTCGCGCGGGGATGAATCCTCTGCAGAC
GACTGAAGTGACCAAGCGGGTCGTGTAAGTAACTGAGTGTCTTGTGTGACAGT

>trans_s_8445 AB251641|Lotus japonicus IGN1 mRNA for IGN1, complete cds

AAAGCAGAAAGACGAGTTGTGGAAATCATAAACAACTCATGTGGCTGGCTTCTGTTTGTACTTCGGTGGCAT
TCATGGCATCATCGTACATCGTGGTCGGTAGGAAATACGAATGGGCTGCAGTT

>trans_s_8446 BT005865|Arabidopsis thaliana At1g23710 gene, complete cds

CAGTAAGTCCATGTTGAATACCGGATAAACCGGCTTGATCTGGCCATTGTAAAAGATTTATTAGCAGAACTC
GTAGACGAGCCTGGTTCTCTGAGAACAGCAAACCTCAAACCTTTCATCATCATC

>trans_s_8447 NM_111093|Arabidopsis thaliana BIG (BIG); binding / ubiquitin-protein ligase/ zinc ion binding (BIG) mRNA, complete cds

CAAGACCTTTGAAAGTGTTTCATGGCCTATGTGAAGGTATATATCAAAGTTTAAATGCAGAATTGGATGGATGT
TCTTATGGGGTTCTGTTTTTGTGAAACAGCCCAGAAGACGCCCCGGAGTGTGA

>trans_s_8448 NM_129687|Arabidopsis thaliana GLU2 (GLUTAMATE SYNTHASE 2); glutamate synthase (ferredoxin) (GLU2) mRNA, complete cds

CCTGTCTTGACCGCAATGGATTGCGCCAGCTCGGTATTGGCGCACGTCAGATAATTTTGTATGTTGCTTCT
GAGGTTGGCGTCTTACCAATGGATGAGTCTAAAGTTACAATGAAAGGCCGTC

>trans_s_8449 XM_002889400|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EDGP precursor, mRNA

TACTACTGCTTTAGAGAGTTCAATCTTTAACTCTTTGACGGTGGCTTTCAGGGCCGCAGCGGCAGCGATGAATA
TGAAAGAAGTGGCGCCGGTAGCGCCCCTACAAATATTTTTTTAATTCGAAAGT

>trans_s_8450 CP000597|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 17, complete sequence

AAAAGAGGAGAAAGGATCAGAACTCGCTAATAGGAAAAGAGAGAAAAACAAAGCAATGCCAAGAGTTCCGT
CAATCCGCTGTTTCATCGATAGACGAAGCTCTCTCTTATCATCTCGTGCCAGATG

>trans_s_8451 BT009669|Arabidopsis thaliana At1g18620 gene, complete cds

GGGTCTGTGAGCCCAAGAGTGCAACAGAAGAAGACTGAGCAAGACAAACGATCTCGACCACCAACTCCTCCA
TCTGACACAAACAAAACCAGATGGAAATCTAACAGACAAGGAACTGACGAGTGA

>trans_s_8452 XM_001757559|Physcomitrella patens subsp. patens argonaute family member
(PpAGO1a) mRNA, complete cds

GAAGACGGAGAAGTAGGAAAGATTCGTCTAAGCTAAGTAGGAAAGATCAAGGGAGCGGGAGATGGTTCGT
GAATATGGATGAATGAGTCCTTCGACCAGTTTCAGGAGTGTGGTAGTTCGAGAGG

>trans_s_8453 NM_202587|Arabidopsis thaliana HEME1; uroporphyrinogen decarboxylase
(HEME1) mRNA, complete cds

TAGGACCCCTGTTCTTTTCATGCGCTCTAGAAGGCCTCCATTTCCGTTGATGTAGAGAACAAAGTGGTGTCTG
GGCACTTCTCCCTTACTGTACTCACAATTTTCTGAATATACGGCTTTGACCA

>trans_s_8454 GQ845264|Linum grandiflorum bio-material TMP 1200 tRNA-Gly (trnG) gene, partial
sequence; chloroplast

GCGGATATAGTTTAGTGGTAAAAGTGCGATTCTTCTATTAGCTTTGCGCGCTGGCCTTTCGAAGGATTTGGTC
GGCCGCGGAATCGACCCCCAGGGCGGGAGAACTCGGTCCTCCAAAGCCGCTC

>trans_s_8455 DQ847145|Malus x domestica ethylene receptor 2 (ETR2) mRNA, complete cds

GCAAGATGGTTAGATACGGAATGATCTTTTACATTCTCAATGCTTACTTTTTTTTCTTCTTTCTGGGTGGGT
GAAGCTTGTAACAATTCATTTTCTGTCTATGTTACAGCTTCGTTGTCCGCAT

>trans_s_8456 AB041517|Nicotiana tabacum NtEIG-A1 mRNA, complete cds

AACTGGACTGCCGGAAGAAAGATTCATCGTTGGCGATTCTCTAGTGTCAATTTTCAGAACCCGCGAAGATGATT
TAGTCAGAGTAACGAAACAATCGTTTCGATTATGTAACGATGACAACAGAGCT

>trans_s_8457 U09671|Canavalia lineata leghemoglobin mRNA, complete cds

AAGCAAAAGCCCTCCTTCTTTAGTTCCCTTGTTCCCTTCATTACTCGCTTCCAAGGACACAGATTCTGGAGCCGG
ATCTTGATGCTTGTTGTTTTTCGTAAGCAGTAACTTGACCCTACATCTGT

>trans_s_8458 HQ449718|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc_SSR_9 sequence

AACGACCCTGTCTTTGTGCACTCCAGGAAGTGGGCAAGAGCCGACAAGCCATGTCCATCAACAGACTCCTTGA
TTGATTCAAGTTGTTCTGCAAGGCTCCCAGCATTGAAGAAATCTTCAACTCT

>trans_s_8459 XM_002894487|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-protein ligase 1 (UPL1),
mRNA

GATGTTTATTTACAAGATCTTTTTACAAGCACATTCTTGGGGTTAAGGTGACTTACCATGATATAGAAGCTGT
CGACCCTGATTACTATAAAAACTTGGGACAGATGCCAAGAAACAAGCACTTT

>trans_s_8460 NM_001057614|Oryza sativa Japonica Group Os03g0717000 (Os03g0717000)
mRNA, partial cds

ACTGCTTATGGACCCGAACCTGGAAGTGTTCACAAGGGAGAATTGCACGATGGTACAATGATTGCTGTGAAG
AGAATGGAGTCTGGAGTCATAGGTGAGAAGGACCCAGGCAGGCCTGGAATCTCT

>trans_s_8461 NM_001063314|Oryza sativa Japonica Group Os06g0143900 (Os06g0143900)
mRNA, complete cds

TGAACGAGTTTGGGCAATTGGATACATGAAGAGCTCTCGCCGGGTTGTGATTGGTTATGATGAAGGAAGTATT
ATGGTAAACTTGGCCGGGAAGTACCTATTGCAAGTATAAACAACAACACTTT

>trans_s_8462 GQ998448|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 NADH-
plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

TGGACGAGGCACGATCTCCGAGAAAAGGGTTGAAATGCATTGAATAGATATCCTCATTTTTATATTATTATTC
GGATTAATGAACTAAATCAGATAGTTATATGAGTGAAAGAAAACAGCTTATA

>trans_s_8463 NM_001060532|Oryza sativa Japonica Group Os04g0633900 (Os04g0633900)
mRNA, complete cds

CTAGAATCCCAATGACCCATCTCCTGGAAACCTCAGTTGGAGGATGGAGCTTCATGAATATCCTGAATCTGTCA
TGTGGAAAGGTTCAACAAGAATACTTCAGGCATGGCCCATGGAATGGTATGAG

>trans_s_8464 NM_125154|Arabidopsis thaliana heat shock protein-related (AT5G57710) mRNA,
complete cds

ACCGGGCCAAAATCCAACAACAATTGGGCAGGGGGCTGATGAACCAGCCATTTCAAATCACCCATATCAAGA
ATAATTCCTCCACTACCATTCAAATTCTCCATTCTACTTTCCGATGCCAGGAGC

>trans_s_8465 XM_001690191|Chlamydomonas reinhardtii rhomboid-like protease (RBL6) mRNA,
complete cds

AGTGTGCGGAACCAGGAAAATCACACTTGAATTTTTCTGAACAATCTTTCATTAACAATGACAGCACCTTTGC
CTCCCGTGATTTCCAGTAAAGCAACAGAAGAGTTCCACGCTTGATGTGCCT

>trans_s_8466 Novel Gene

AATCATCCATGCCGGTTCCGCACCGCCCTGACTGCCCTGAGCTTGGGCGTCCTGAATAAGGTCACCTTATTGTA
GAGTCAACCGTGAACATAATCCCCTGGTTTTCTTTGAGTTTCATTCTTGC

>trans_s_8467 EF488077|Pisum sativum chloroplast chlorophyll-a/b binding protein mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CCTCAGAGATTTTCGTCGCCATGGGAACTGGAAAATACACCATGGGAAATGATTTGTGGTATGGACCCGACAG
AGTTAAGTACTTGGGGCCGTTTTAGGGGTCCTCCATCGTACTTGGGTAACAG

>trans_s_8468 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

AAAGGGGAGAAGCCGGAGGGGCCTACAATCACTAGCCAATATGCTTTTCTCTCATGCCTTTCTTCGTTTCATG
GTTTCGATATTCTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACACACCAATCCATCCCAGA

>trans_s_8469 CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

GCGGGAGCGGCACCCCTAATAGCTCTGCATTTTCTTTGGATTTTCTCGTGCAAAGGGGAAACATATACTTCCAT
TACTCTTTAACCTTGCTAAGCTGTGCAGACCCCGGGGTGGGGGATGTACC

>trans_s_8470 EU877074|Brassica rapa subsp. chinensis cytochrome P450 CYP79A2 mRNA,
complete cds

TGACTTCCTAAAGAAACAACATGGACAACAGTGAAAGAAGATCAATTCCAATACCCATCACCAAATCAAAAT
ATAAATGCAAAGAAGAAATCCAAATTTCTTAAACCTCTAAGCCGGAGAGGGGA

>trans_s_8471 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

AGTATGAATTTATGCGCTGTCCCATAACATTTGTGGACACTGGCGTTGCTGCCACGATCCACTGAGATTGAGC
CCTTCGTCGCTCCGATTCGACTAAGGTTAATCGTCTCACCAGGACCTTGCTC

>trans_s_8472 XM_002502147|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5 SNF2 super family
(MICPUN_58699) mRNA, complete cds

GGGAGCCAAGATCGGCGTGGTGGGTCCTATGGTGTTCAGTCTCAGGCGTCGCCAGTGTCAGAAGCCAGCAA
TCCGAGGCAGTTCACTTGGGGAACGACAGAGTGAGATGGATGAATCACACCA

>trans_s_8473 AB159050|Chlamydomonas reinhardtii gene for Lhc-like protein Lhl4, complete cds

GTTAGAACAGCCCGCAGACTTGTGGATTGCCTCTTTCCCTGTTGCCTATATTGTGTATGGTCACCTGGTTTCGT
GGAGCTCAGTCAGGGAGGTTTCGTCTGAGCGTGGAGACAGGTGAACACGGC

>trans_s_8474 AB181026|Hibiscus tiliaceus chloroplast accD, psal genes for acetyl CoA carboxylase,
photosystem I subunit, partial cds, haplotype:B

AGCTCCCTTCTTAACATTACATGTGTATATACAGGACACTATAGCAAATAGCGGCATAGAGTCTTGATCTT
TCTACATCTCTAGCGGATCTCTAGTTTTACTAAGAATCCCTGTTGTTGGATC

>trans_s_8475 U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

ACCTGAGCATGCTTTCCTCCAGACAAAGGTCCTAGAAATCAATCTGGTAACTTTTCAAATGTAGCCGATGCCA
TATTGGCTAATGGAATGTTTAGTCATTACGCGCTCCCTCGGGCTAAAACGGG

>trans_s_8476 XM_002314957|Populus trichocarpa s-adenosylmethionine synthetase 3 (AdoMet3), mRNA

AAGCCTGTAGTCCCTGAGAAGTACCTTGATGAGAAGACCATCTCCACCTCAATCCCTCTGGTCGCTTTGTCAT
TGGTGGCCACACGGAGATGCAGGTCTCACTGGTGCATTCTAGTAGTAGCTG

>trans_s_8477 NM_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

AATCACTAGTTCTGGCGATGATCTGTCTGGAGATTGATGGACGCCATCTGAGGAGAATGGCTCTTGACATACAAA
GTACCTATAATAACGACGGTTGCTGGAGCGTTGGCAACTGCCGACTATCAGGG

>trans_s_8478 EU594575|Spinacia oleracea 17S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCCGTTGCCTATAGAGCCGAGAGCGTAGCTACTTCTTGATCGCTCCCGTATATAGCGCTTACAATGGAAGTCC
TTCTGTTTCGGCTGTAATGTAATTTGAATTCTCGCGAGGAGAGTTTTTCA

>trans_s_8479 Novel Gene

GGGGGACCCCTTGCTCTGGGAACAAGGGAGAATGAGCAATCAAACCTTCGTTATAGCATTCGTTGTTCAATGA
GAAAACCCACAGATAAAATCTCGTTGTCTCATATAATACACAACGAATGCAAA

>trans_s_8480 EF010876|Harpanthus flotovianus NADH dehydrogenase subunit 7 (nad7) gene,
exon 1 and partial cds

ATATTTTAATCATTTACTTGCTTTAACTACTCATGCTATGGATGTGGGAGCATTAACTCCGTTCTGTGGGCTTT
TGAGGAGCGGGAGAAATTATTGAAAAGATACTTTCTCAGAGCCCTCGGGA

>trans_s_8481 AF441864|Corylus avellana 48-kDa glycoprotein precursor, mRNA, complete cds

CACCACAGCTATCTTCATGGATTTGGAGTTATAGTGAGGAGTCATCATTGAACCTTTGGTAATGTTGGCAAAG
GCGATAGCGACACCAAGATCCCGAAGCTGGCTGAATTCATCAGGATAGGCTTC

>trans_s_8482 NM_001072443|Oryza sativa Japonica Group Os11g0183700 (Os11g0183700)
mRNA, complete cds

CCGACCAGTGGGCGGTATACTCCTAGTCCCACAACAGTTCCTCCAACACAGGGAGACATTTCTACCTCTGCGGC
CACTGAGCAAAAGCCAATTCCAATCCATCCCGCCAGGTTGTTGGCCCAGAG

>trans_s_8483 FJ602702|Nelumbo nucifera cultivar Mei Ren Hong granule-bound starch synthase
(Waxy) gene, complete cds

GTTCAAGGATTTCAATCCCTTGTCGTTTTCTACTTGATTCTTCACGCCAACCTGTGAAAGGCTCGTCTTAGTCTC
TGAGGCTGTAGCCCCATGACTGATGAGAGAACTCCTCGAAACAAAGTTTG

>trans_s_8484 AF081954|Cucumis melo allene oxide synthase (AOS) mRNA, complete cds

AGCTTGGACCTGTTCTGAGTCTCGGCCTCCCCAAGGTCGTCGAGGAGCTTCTCCTCCGCACGGTCCGGCTCCCC
CCGGCGTTGATTAAAGCCGATTACCGTCGGTGTGCACTTCTCCCCGTGGA

>trans_s_8485 NM_179714|Arabidopsis thaliana TET8 (TETRASPANIN8) (TET8) mRNA, complete cds

ACTGCACTCAGATTGTCGGCAGAACCAGTTTCGTGAGAATCGCGTCAGGAACAACAAAGATTGGAACAGAAT
CAGAAGCTGTTTAGTCGACAATGGAACCTCACATTGAATTCAACCAGAAAAAGC

>trans_s_8486 XM_001701023|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTCTGTTTCATGACTCCTCTTGGTCAGAGGGAATAGCTCGGCATCCAGGACTGGGGCTGGCCAAGCCTTGTTGC
GTGCGCTGAACCAAGTGAGCTAAACCGCGCCCCGGGGACTTCTTCCCCCTTC

>trans_s_8487 AY104263|Zea mays PCO104685 mRNA sequence

TGGAATTCAGGTCGGTAATTCTTGCTGGGAGCTTTACTGCCTCGAACATGGCATTGAGCCCGATGGTTTGATG
CCCAGTGACACATCGGTTGGTGTGTGTGCAGCATCCCTGGTGTACCCCTG

>trans_s_8488 EF093516|Cucumis melo subsp. agrestis internal transcribed spacer 1 and 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

TGGAGGCCAGTGTGTGTCCCTGCCTTCACAACGACCCCGCATGGGGAGAACACACACCACCCGGCCATATGC
GTGACGCCCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGGCGCAACTTGCG

>trans_s_8489 AY955819|Sindora klaineana 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCACTGAAGTTAGAAAGAATGGCACCTGCCCTGGTTGAGACCTGATGGCAAGAAAAGGAGAAAGGTCCTTC
AGAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACG

>trans_s_8490 AJ271116|Diphyscium foliosum partial 25S rRNA gene

CCCATCTCTCAGGACCGACTGACCCATGTTCAACTGCTGTTACATGGAACCCTTCTCCACTTCGGCCTTCAAAG
TTCTCATTTGAATATTTGCTACTACCAACCAAGATCTGCACCTGCGGCGGC

>trans_s_8491 AB545982|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins and S2-RNase, complete cds,
haplotype: S2

GAGCCAGGGAGAGACTATTGATCCAAAAGATGAACCTCAAGCCTTTTAACATCCAACACATCTCAACCAGTCA
AGAATTAAATATCGTAACCTAACATCCCAAATCGGCACCCTGTTTCGTTTA

>trans_s_8492 X80170|O.berteriana rpl2 gene

ATCCCCAATGCCGCATAAAGTCTCCGGAGATGGAGCGGACTTCCCTGTAAGTCAAGTGAATTGTCTAAGTG
CTCTCCCCTCTGGCTTTGTCTTTGTGCGAGATCGTAATCATTCTTCCG

>trans_s_8493 AY704406|Quercus petraea TUB8 mRNA, complete cds

CCAGGGAGATTCCGATCTTCAGCTTGAGAGGATCAATGTTTACTACAATGAAGCCAGTTGTGGTAGGTATGTA
CCTCGTGCCGTTCTTATGGATCTTGAGCCTGGTTGATACCTATCATAGACCG

>trans_s_8494 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

ATGCCTATGACAATTATTCCTCTCGAAAGCGGGGCGGGTCGCTTGAGAGCTAATGCTGTTTTAATTCCTTCCT
TGGATGTCTGAGTTAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGG

>trans_s_8495 XM_002884996|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 25
(UBP25), mRNA

GAAGGCATATTTGGTGGTAAGATTGACAAGGCCATTGCGTACGAGGAGAGTTTGCAGCTTTCAAATTCATGT
GCAAAGGAAGTCAGGATTCGCGGCCGGAGTACAAGCTCTTTGGTACCATACA

>trans_s_8496 Novel Gene

ATTGGTTAAACATTTTATTAGGGAGCCTGGTCTTGA CTCTTGTGTGGTATTCA TTCTTGT TTTGGCTCTTGAA
TCACATCCAGCCGTGGTTGGAACAGCTTGCA TTGACTTG GCCCTGGCGCC

>trans_s_8497 NM_001057517|Oryza sativa Japonica Group Os03g0698800 (Os03g0698800)
mRNA, complete cds

TAGGGAGAACATGATATTTGCAAAGCTTCTCAGATGCTGGCCAAGCTTGAAAGGAAAGCAATTGACCCTTG
GGAGGCCTGCAATATCATTCTGAATACTTCACGGCGTTGCGTAGCCTCTAAA

>trans_s_8498 NM_001058308|Oryza sativa Japonica Group Os03g0827700 (Os03g0827700)
mRNA, partial cds

TTGGCATTAGCTGCGCTAGCGGTATCAGAAGCATTGCATGGAGATATATCACAGCATCAACGGGAAAGAACA
TTAAATGGCTTTTCGGCAGGGGAAGTTCACTGTGCTGGTTGCACACACGTGCTA

>trans_s_8499 NM_001125639|Arabidopsis thaliana OST1 (OPEN STOMATA 1); calcium-dependent
protein serine/threonine kinase/ kinase/ protein kinase (OST1) mRNA, complete cds

CAGGACGCTTTAGTGAAGATGAGGCTCGCTTCTTCTTTCAACA ACTAATATCGGGAGTCAGCTACTGCCATGC
GATGCAAGTGTGTCACCGGGGACTTGACTGGTTCTCCACAGGGCAGCTCGTTC

>trans_s_8500 NM_001055050|Oryza sativa Japonica Group Os02g0816700 (Os02g0816700)
mRNA, complete cds

GGTTAGGGAAATTCAGGAGGAAGCATATTATGAAACAGAAGCTGTACAAGACAAAGACTCCAAGCAGAATG
CTGCCATTGATCTTTCTAAAAGATTGAAAGACTTCCGTTCTCTCAATGATGCTT

>trans_s_8501 XM_001759742|Physcomitrella patens subsp. patens transcription factor WRKY26
(WRKY26) mRNA, partial cds

GCCCCGATCGCGTTCCGCCTTGACGAGGATTGGTGACGGTATTTAATATGATGGTTATAGATAGAGAGATTC
GTACTGTACGGATTGTTACGTCGCCTGAAAGATCCCATGTGGTGGTTTGCCC

>trans_s_8502 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CCTGCGGATGCTAACGCTATCCTAGGTCGGAACAAGTTGATAGGATCCCCTTTTTTACGTCCCCGTGTCCCTCC
CGTGTGGCGACATGGGGGCGAAAAAAAGGGGGAGAAAGCAAACCAAAGA

>trans_s_8503 BT012095|Arabidopsis thaliana At3g14830 mRNA sequence

AGAGGAGATTTATGGAGAGTAGAGGCATCGCATGGCAGAACCGCAGCTGGAAATGACAATTCATCTTTATTT
CTACTGCAGCTTGGGCCAGTACTCTTTGTTCTGTGACTCAACACTTCTTTTGCC

>trans_s_8504 AB234880|Trifolium pratense mRNA for BEL1-like homeodomain transcription
factor, complete cds

GCGGTTTCTGGTGAGGAGAACATGCGAATCTCCGGCGGATCGAGTTCTTCGGCTTCCGGTGTAACCAATGGT
GTGGCTGGAATTCAGGGTGTTTTGATTAGCTCCAAATATCTTAAGGCTGCGCA

>trans_s_8505 XM_002864338|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata trigger factor type chaperone
family protein, mRNA

CATTAATTGGCATTCAACGAGGTGAACTAAGTCATTTCCCCTTGATTTCTGAATCATGGAATCAAGAAGAT
CTCCGCGGTGTTTCATGCTCAATTCACAGTTGAGTGCAAGGAACTATTCTAC

>trans_s_8506 AB378634|Lotus japonicus LjERF16 mRNA for transcription factor AP2-EREBP,
complete cds

TAGACAACAACAACAAAATTCCCCTGCACTTAGTGGCATAGATGATATGCATGGGACTGAACATTTTTTGAATC
CAATGAATATTGAAGGTAGTCTTCACACTCAGTCTCTGACACAGTTTCCAC

>trans_s_8507 Novel Gene

TCTGTTGGAGCGAATAGGATGATCGGGCCGAGGCGTCGGGGGAGAAGGGGAGTGAGAGGAAAGGGCGAG
GCACCCTAAGTGGAACCTCAGTAGTTTCGGAAAGACTGAGCCGGACACTTCACTATT

>trans_s_8508 AY508656|Eragrostis advena isolate 1.4 granule-bound starch synthase I (waxy)
gene, partial cds

GGTATAGATAAGAATTAACACACATTCTGTAGCTCTTGGGAAAGTGTAAGTGGCACACCGTGTACGACAATAA
CTATCTGTCTCTCCGACGTTGCGTACAGGAATGTGCAGCTAGCCCGCGTTAC

>trans_s_8509 AJ489612|Cicer arietinum partial mRNA for nitrate transporter (ntp gene)

TTTGTGCAGTATGGTACAAGCCACAGAAACCAAAACAACCTCCTTGAGATGGAACTAGTACAAATGGGGGAT
CTGGAGCTGAGAAATGCTAGTAACTAAGCTAGATTTTTTATTTATTCATTTT

>trans_s_8510 Novel Gene

ACGTCCGGAGGACTGGTCCGAAGGACTGATTTATATCCATATTAACCTGTCCGGAGGTTATGAAATAACTCGA
CTCCAAATTCTAAGGGGCGGTTTCAAGAAAGTCGACTAAGAAGGAGTCAATG

>trans_s_8511 DQ250020|Petunia integrifolia subsp. inflata non-S-locus F-box-like protein 2411
(FBP2411) mRNA, partial cds

GAGTGAAACATCTACGAATTGGTGGATTATACGGGGTGACACAAGAGCATTTTGAAGAGTTGAACTTCTTACT
GGGGATTGACTGCAGCCTTACACAGAAAAATCTGCGCCTACTTGCTTTTCA

>trans_s_8512 NM_001071733|Oryza sativa Japonica Group Os10g0543500 (Os10g0543500)
mRNA, partial cds

AATGACCGCTCAGTGATAAAGGGTAAATGGCTTCCACTTTCACAGCCATGTCTTCAATTGGGACCCTTGCTGCT
CCTGGAAGCCGTGCAATGCTATTTTCGAAAATGGCAGAAGACCGCCTGGT

>trans_s_8513 XM_002866195|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

GCATTGAGAGCAACATTGGAGGAGATATCAGAATCGTCATTACTGGTTCATGTGGTGGACATCAGCCATCCGC
TGGCAGAGCAACAGATAGAGGCCGTGGATAAAGTTCTTTCAGAATTGGGCAC

>trans_s_8514 FJ899841|Populus maximowiczii x Populus nigra carbamoyl phosphate synthetase B
mRNA, partial cds

TGGGCTAATGAACTGTGAGTACGCAATCACTATGGCAGGGGAGGTTTTCTTGCTCGAGGCCAATCCTCGTGCT
TCCCGTACGGTCCCATTGTATCTAAAGCCATTGGGCATCCATTGGCTAAGC

>trans_s_8515 EU333827|Zoisia japonica Na⁺/H⁺ antiporter (NHX1) mRNA, complete cds

CATTATACCTGGCATAATGTGACTGAGAGCTCAAGAGTTACCACCAAGCATGCTTTGCCACATTATCCTTCAT
TTCTGAGACATTTATCTTCGTCTATGTCGGCATGGATGCATTGGTGTAAC

>trans_s_8516 XM_001701023|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTCTGTTTCATGACTCCTCTTGGTCAGAGGGAATAGCTCGGCATCCAGGACTGGGGCTGGCCAAGCCTTGTTGC
GTGCGCTGAACCAAGTGAGCTAAACCGCGCCCCGGGGACTTCTTCCCCCTTC

>trans_s_8517 XM_002874847|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-
containing protein, mRNA

AAGATGAGTGATAGTGAGTATATGTGCATGGTATCCTCTCTTGTAAGCTTAATGAGCTTGAGGAAGCTGAGA
AACTCTATACTGAGTGGGAGTCAGTATCCGGGACACGTGATACTCGGATCCT

>trans_s_8518 XM_002312345|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA

AATGGAGGAATGGTGGGTATACGGAGAAGATTGAATGGTGGATGAAGCTTCAGAAGAGTAATCGCATCTAT
GAACTTGGGTCACTTCCCCGTCTTATTGGTTTTTATTAACGGTACAATACAA

>trans_s_8519 AP009369|Arabidopsis thaliana chloroplast DNA, complete sequence

AAATGGTTCATGCATGCTGGTTGCCTGGGGCAACAAGATCAAGTTGGTAAGGATTCAAATATCTCTTTCTATTA
ATTCGTGCAACAAACCCCGACTTCTCCCTACTACGACCCGGGCGTATAGT

>trans_s_8520 AY262820|Pinus radiata cellulose synthase (CesA10) mRNA, complete cds

GGTGGGTCATGCAAGATGGTACCCCATGGCCTGGAAATAACACAAGAGATCATCCTGGAATGATACAGGTTT
TCTTAGGTCACAGTGGAGGTCTTGATACTGATGGAATACTTGACGGCGCACTT

>trans_s_8521 NM_118203|Arabidopsis thaliana TPP2 (TRIPETIDYL PEPTIDASE II); tripeptidyl-
peptidase (TPP2) mRNA, complete cds

AAGCCTAAAACAGAAAGCGATGAAGAGTTTTGAGAATGGAAGAAGTTGTGCTCATCCCTTAAGAGCGAATA
TCCAACTACACTCCACTGCTTTCAAAGTATTGGAAGGTTGACCCTCTGGA

>trans_s_8522 AF410312|Arabidopsis thaliana At1g27100/T7N9_16 mRNA, complete cds

AATCCGTCGTT CAGGACCGGAATGGATCATCCAAGAACGTTAGGTGGGCGGTCGAGTTCGTTTCCTTCTCTGA
TGCTATTATCCGCCTGAAAAGCTGTTATGGGAAGTACTTAATGGCGTCCAAC

>trans_s_8523 EF155941|Populus trichocarpa RAP2.4L2 gene, partial sequence

CGTGGGGACTTTGCTAGGCTCAATTTTCCACATCTCAAACACCAATTCGGTGACTTCAAACCTCTTCATCCTTCT
GTGGACGCGAAGCTTCAATCACGGGTGACTCTAGGTCCCACTTTTCCCCA

>trans_s_8524 XM_003062288|Micromonas pusilla CCMP1545 cytochrome P450 superfamily
protein, mRNA

ATAGGAGTTTTTGTCTCCTTCTGATGTTGTTGGTTGACGAGGGATCATTTTGCAATTTTCTCTTTTCTATTTTT
TCTTCTTTCCCATGAATTAATTTTTGCGTTGGCAGTCCCAAGCATTTTG

>trans_s_8525 XM_002886665|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AGGCTTCATTTAGAGCTTTGGCTGGCAAAGGTTATCAGACAATGCAAACCTTACTCTTGGACTTCTGTCAATGT
CATCCAAGTGATGCACTCTTAAGTGCCCTGCTCGATATATCCACCAGCAAG

>trans_s_8526 GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

CATCCCCTCGCAAGGCGGAATCTCGCCGTCTCGAACCGTTCCTTTTGGGTTCTCTGCTCTCAGGTCACCGATCT
CTCTACCCTCGAGGGACAGGACCTCGATCAAGGGGGTGGAGAGATTCCCAA

>trans_s_8527 FJ882980|Fragaria x ananassa blue light photoreceptor mRNA, partial cds

TCATTGCCCGTTCCCAAGATTTCTTCTCTACTGTACTCGGTTAGCTCCAGAAAGCTATCAGATGCAAATATAATG
GGATTGTCAGGCAATCTAGGATCAGTAATCACAAAGTTCTTTTCTATACG

>trans_s_8528 FJ376040|Brassica rapa subsp. pekinensis methylthioalkylmalate synthase (MAM3-
1) mRNA, complete cds

GCTGTTCTGCTTGTCTAAACAAACCGATGATGATGGGAATGAGATTACTTGGAGCAGAGGTAGCATTATTTTT
GAAGCTGTAGTAAGAACCTTTTTTTTGGGGGGTATATTAGTTTTCCCTACAG

>trans_s_8529 DQ862464|Capsicum annuum Cys-3-His zinc finger protein (KR1) mRNA, partial cds

CATCAAGTGCAGTGGCAGCTGCAGTGATGAACTCAAGGTCTGCTGCCTTTTCAAACGAAGCCAGAGTTTCAT
TGATCGAGCTGCAGTGTCCTGCTTCTGCGGTTACATTGTGAGGTTTCACT

>trans_s_8530 NM_001070155|Oryza sativa Japonica Group Os09g0508200 (Os09g0508200)
mRNA, complete cds

ATTGTGACACCTGCTCCAACAACACCTTCTCAAACACAGTTACTTCTTATCAGGTGCAGAAGTTCGAATCGAC
TGCAAATTAAGCAGAAACGCCGTACGCGGCGGACGTCTATCGCAAGAGT

>trans_s_8531 BT010595|Arabidopsis thaliana At3g10650 gene, complete cds

GCCGAGATCTCGTGGTAGATCTGCCCTATACAGCATGGCTCGAGTTCCATATTCCAGAGTTCGTGCAACCCCCA
GCATAAAGAATAGTATAGCCACAACAGATGCTTACAGGGCCACAACATCCT

>trans_s_8532 GQ386982|Hordeum vulgare subsp. vulgare cellulose synthase-like family C2 protein (CSLC2) mRNA, partial cds

CAAGGTGGTCTTTTGTGAACAGGGATGAGAACTTGCTAACCAGGCTGCAGAACATCAATTTAGCTTTCCATTTT
GAAGTAGAGCAGCAAGTGAACGGTGTCTTCCTAAACGGAAGCGAAATGTCA

>trans_s_8533 HM851188|Capsicum annuum isolate 2 pto-like protein kinase gene, partial cds

TTTGGACTCTCGAAGATTGGCCCTGAATTTGACAAGACTCACGTACAGCAGTGAAAGGAAGCTTTGGCT
ATCTCGATCCTGAGTATTTAACGACGCAGCAACTGACCGAGAAATCAGATGT

>trans_s_8534 FJ102913|Pinus taeda isolate 1993 anonymous locus 2_8021_02 genomic sequence

AGCCTCCCTCTATGGCACTGAGGTAGATCCATCACTTGCTACCAAAGTCAAGGTTCTGTGTTGCTCATCTCAG
GGGACGATGACCCACTTTGTCCAGTGAGTGTCACAGGAAGCCAGAGACCT

>trans_s_8535 NM_001186569|Oryza sativa Japonica Group Os03g0565600 (Os03g0565600)
mRNA, partial cds

ACAATCAAGTGTTCCTTTTGAACCAAAGGTTTTCTATTGTTATTATTGGAACCTCCTGGGCTTCTTTTTTCTC
AACGTACACACTCCTGGTCTCTCTCAAATGAGAGCGCACCATCAGGCT

>trans_s_8536 L42845|Friedmannia israeliensis large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast gene for chloroplast product

GTATAGGGAGCAGACCCGGGGAAGTGAACATCTCAGTACCTGGAGGAAGAGAAAGAAACCTCGATTTCCTG
AGTAGCGGCGAGCGAAACGGAAAGAGCCCCAAAAGAAAGAGATATCTTTAAGGG

>trans_s_8537 AY097378|Arabidopsis thaliana At2g41800/T11A7.10 mRNA, complete cds

GAAGTTCACAGCAACCTCACCTAGGACCAGAATCACATTCTTCAGTTCATACTACCACACTAGAACAGATGACT
TCGGATCCCTCTGTGGTCTGTGCTCGACTCGTGATCGCCCATCTCCATAA

>trans_s_8538 XM_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

AGCAGAGAGTAGGAAGCCATGAAGACAATCAGTAAGAACAACAGTAGCAGACAAGTGACTCAAGAATAATC
TCTGAGCTTCCCCAAAACCTTCTCACAAAAGCCAACCGCCATATCCAAAAAGTAA

>trans_s_8539 XM_001703264|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CGAATAAAAGAATCCATTTTCGTTGAAGAACAAATGATCACCGCTAGGGGGTTTGATTTAGGGCCGTCGACG
AGCTTAGAGTTGAAAAACGAGTTGGATAAAAGCCAGGAGGAAACCTCTACTTC

>trans_s_8540 X58118|F.ananassa 26s rRNA gene

CACATGGGTTAGTCGATCCTATCTCTGAAAAAGGGTTTACTCTCGAGACGCTGGATTGCAACTTCGAAAGGGA
ATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTTTATTAAGTCCGTTGGTAAGAC

>trans_s_8541 NM_001060696|Oryza sativa Japonica Group Os04g0663100 (Os04g0663100)
mRNA, complete cds

GCTGGAGTTTCCGTAAGAGATCTTCCCAGCATCGTGTGCTAAACAACACAGTGAGTGCAGAACTCCTTCTGT
AGCGAAGGAGAACCTTGAACTGCTACATTGACTTCCAATCACTAGACATA

>trans_s_8542 GQ354536|Spartina pectinata microsatellite SP5D013 sequence

TCAGCCTCACTTTGCTACTCCAAATTTGTTCTTTCCAAACCAAAGGCAGGCAACAATGGCTTCCTTAGCAACAT
TAGAGTAGTGGACACCGGCCACCCATAAGCCAGGTGTGAAGGAAACCCCT

>trans_s_8543 NM_001060653|Oryza sativa Japonica Group Os04g0656100 (Os04g0656100)
mRNA, complete cds

GGAGAATCACTTCCCGTGACCAAGAACCCAGGGGATGAAGTTTTCTCTGGCTCCACTTGCAAACAAGGAGAA
ATCGAGGCTGTTGTTATTGCTACTGGTGTCCACACTTTCTTTGTGCCCTACCG

>trans_s_8544 EU940696|Jatropha curcas ADP ribosylation factor gene, complete cds

TGGAGAGTTCAGTAAGTAAACGCTCTTTTCACTTGTAAGACACAGTGGCAAGAGTGTAGCTTAGGTTTTGT
TATGTACCGATAGCGAGAAATTAATCGGCACAAGACCGTCCATAAGCACAAA

>trans_s_8545 NM_102124|Arabidopsis thaliana GI (GIGANTEA) (GI) mRNA, complete cds

TGGTACTATGGCGTATTGCAAGGATGGTTCTCCCTTTTCGTCTTTCATATCCTTATTCTGCCAGACACAGAGCA
TGATTATTCTGAACAGTGGGCTCTGGCTACACCACTCTAAAAAGAGGCC

>trans_s_8546 AB082376|Pisum sativum mRNA for elongation factor EF-2, partial cds

TCTCTTGCTGCTCTTGCCTCATCTACTCCAACTTGGAAGCATACATCTTCGCAAAGTTAGTCAGGGTAAATGCC
CAACCGTGCAAACCAGCAGAGAAAGCAACTGTTCTTTGTTGAGTTCTTA

>trans_s_8547 EU183360|Arachis hypogaea aldehyde oxidase (AhAO1) mRNA, complete cds

TGTTGTTAAAGAGCTCTGTGGGCTGGACTGTGTGGAGAGTTACCTGAAATGGATTAACGAATCAAGAAGCAT
CGTGAGCTAACCGCTACTTGGCCTCCCAAACCTCGTAGTTCAGGCCAGCCCGT

>trans_s_8548 NM_001071752|Oryza sativa Japonica Group Os10g0546600 (Os10g0546600)
mRNA, complete cds

ACTCTAAGGTTTTAGAACCAGCAGATGGAGGACAAGAAGCAGAAATGGATGAAGGAAGCCCCGTGGCTGAA
ATGCAAGCAGATGGGGAAATTAGATTGAAGGGCCCTTGTTCTGTAGTCTCTACCT

>trans_s_8549 NM_104603|Arabidopsis thaliana myb family transcription factor (AT1G58220)
mRNA, complete cds

AGTGCCTGCACTTATAAGCATCATATAAATTACTAAGAGCGTACCATGAACTAGAGAATTATGCTTTTCATGA
TTGATTTGAGCTAATAATGAAATTGAATTGAAGGCTGGAATTGCTTACAG

>trans_s_8550 AB254710|Saussurea eopygmaea gene for external transcribed space, partial
sequence

TGAGGCTTCATTCTCTGGCCGAGGGATGGGTTAGTTCCTATTTGGCTCGTTCATTGAAGCAAAATATTCATA
GATTTTCTTTTATGTTTATCGGCTGCCTTCATCGTTGGGTGTGCAGATGAG

>trans_s_8551 XM_001693619|Chlamydomonas reinhardtii DNA damage signaling kinase, ATM/TEL1-related (ATM1) mRNA, complete cds

AGGTGCGGGTGACTTAGTCGAAAGTTTTTTACTGAAATCAAAGACGTGCTCAACTCAATGAACAAGGGCTTTC
TCTTCCTGCAAGTTCTTCTGCTACTCAAGCAACTGAAGCAAGAACCTAGGAT

>trans_s_8552 HM439692|Sphagnum troendelagicum isolate KS114 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence; chloroplast

TCCATTCTAGAGGAGCCGTATGAGGCGGAAGCTCCACGTACGGTTTTGAAGCCGAGCCTTTCCAGCAATGG
GGCTTAGGGACCGATATGATGATTGGTTTAAACGTTTAACTATGCTAGCAGG

>trans_s_8553 GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

GGAGAGGGAACACACAGATTCCGAAAGAGAATCATAACTTCAAGCAAGCTGGAGATAGATACCGATCATGG
GCACCAGACAGACAAGAACGATTCGTGAGGCGGTTTGTGGAAGCGTTATATTCA

>trans_s_8554 AF195029|Glycine max plasma membrane Ca²⁺-ATPase (SCA2) mRNA, complete cds

CAAGATGGCCTTGGCATTGTTGCGAGTATCTTGCTTGTTGTATTTGTACCGCCACCAGTGACTATAGGCAATC
ACTTCAGTTCAAGGATTTGGACAGGGTTTTCTAGAAGATTGCAAGGACTTG

>trans_s_8555 AB158510|Zinnia elegans ZeGSH1 mRNA for gamma-glutamylcysteine synthetase, complete cds

AGATTATGTGCTCTCCAGCATTTTGGGTCGGTTTGTATATGACGAAGTTTCCCTACAAAACGTTTTAGACAT
AACAGCTGACTGGACACAGGGAGAAAGACAAATGTTGAATAAAAATCAGAT

>trans_s_8556 BT029527|Arabidopsis thaliana At5g49710 mRNA, complete cds

GTAAGAGGGGAGGGGGTTAGGGCCCAACTGGTGATCGGGTTCGTGTGAAGAAGAAGACTTTGCAGGCTGTG
CTGGAGCAGTGTCAGAGAGCTCTTGAATCGCTGAATGATTCCAACGCTGACGAT

>trans_s_8557 XM_002879612|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADK/ATPADK1, mRNA

GAGATTGTTAATCAGGGCAAATTGGTATCGGATGAGATCATAATCAACTTGTTGTCCAAGAGACTTCAAGCTG
GTGAGGCGAAAGGTGAATCTGGATTATCCTCGATGGTTTCCCTCGGACAA

>trans_s_8558 NM_001125223|Arabidopsis thaliana ROF1 (ROTAMASE FKBP 1); FK506 binding / calmodulin binding / peptidyl-prolyl cis-trans isomerase (ROF1) mRNA, complete cds

AGAAGGTTATGAGAAGCCAAATGATGGAGCTATTGTCAAAGTGAAATTGATTGGGAAGTTGGGAGATGGCA
AGATATTCTTGAGGAAGGGACACGATGATGGTGAAGAGCCGGGGTCTGGACCC

>trans_s_8559 AY739702|Elaeis guineensis MADS box transcription factor (STMADS11-1) mRNA, complete cds

ACTTGGGGCATGGACTAGGCTTCATTATCTGGTCAGTGTGGATTTGATCTTTTCCCATATGACTCGTTCCCTTG
AAGCAAAATTGATCGTGCTACTTTTTACAATCTCTCCCTTGCTTTCAA

>trans_s_8560 Novel Gene

CCCACAATTGATCATCAGGATTCTCTAGATTTCAATCCCAGCTCGCCTCCTTCTACCTCTGGCAAACCGACCCAC
TACTCTAGACTTGAGTCTACGGATTCAACTGTTAGTGTACCTCCCAAAT

>trans_s_8561 AY103758|Zea mays PCO086041 mRNA sequence

TGGTGGCTCTTCCCATGATATGATGGCGCTGAAGCCAAAGCTGGCCTTGAGCATATAAAAGTCTATCATCCCC
ATAGTTATTATCACCTTTGGTAAGAACATCAACTTCTCCTGTATCTGGTCG

>trans_s_8562 NM_001054534|Oryza sativa Japonica Group Os02g0728300 (Os02g0728300)
mRNA, complete cds

TGAGTAAGTTTATGACATACGATAGTAAAAACAACACACCAGAGAAAACGTATTTTGTATGGTGTCTTACTTTC
ACACACAGTTAAGAAATGCATACAATGATGTATTCGTTAGTAACGTCGTC

>trans_s_8563 XM_002306518|Populus trichocarpa f-box family protein (FBL8), mRNA

TAGCGGATGATGAAGTGGATTGGATATCTTGTTCCTGAGAAGGAAACTTGTCTTGAATCTCTGATCTTTGAT
TGTGTAGAGTGGCCTATATTAAGTCCGTGACGTCTTTGGTTGTCAATC

>trans_s_8564 Novel Gene

ACCCGAACCTGGGTGATCTATCGAGGGCGATCCTCCCGGTGAACTGACCGTACCCCATTGGCTGTGTCCACTT
GTTTCATCTCATATGATCCCGCAACTCTCTTGGTACAGCTTTTCGTCTAAT

>trans_s_8565 XM_002312030|Populus trichocarpa metal tolerance protein (PtrMTP11.2), mRNA

AGATAGTCAAAGCATATGCCCAAGATCATTTCTTTGATGTAGTCACCAATGCAATCGGCCTTGTGCTGCTCTC
CTTGCTAATATATATCGACGCTGGATCGACCCTCTGGAGCTATATAAGA

>trans_s_8566 EU734566|Zea mays RFLP marker p-csu408 full length insert mRNA sequence

AAACCTAAGCGTGACGTTTTCCGAGAGAGATGCCATGAGAAGTGCTATTGAAGCAATGAATGGTCATATTCTT
GACGGACACGGCGCCGTTACCGGTAGAATATGATGCAGCTCAGCTCAGTTA

>trans_s_8567 AY762614|Brassica napus glycolate oxidase mRNA, complete cds

AGATGGAGATTACTAATGTCACCGAGTATGAGGCTATTGCAAAGGAGAAGTTGCCAAAGATGGTTTATGACT
ACTATGCATCTGGTGCAGAGGACCAGTGGACAAGTCCTTCTCCGAGAAATGT

>trans_s_8568 NM_001186202|Oryza sativa Japonica Group Os02g0703600 (Os02g0703600)
mRNA, complete cds

TGGAACAGGTTTCACAGAAGCCCAATACATACATGCCATTTGGCAATGGGACCCACTCATGTCCAGGAAATGA
ATTAGCCAAGCTGGATTACTTGGTCTCGTCTTGCTGCCCGGTTGTGGGAGC

>trans_s_8569 AY396187|Luffa graveolens photosystem II protein (psbC) gene, partial cds;
chloroplast

ACAGACCGGTAGACTTGACGAGCCATTCCCTTTTATGATACTGAGCCGGGCAAAACCAATAAAATAAAGAAAC
AAATTGATTGCGCGAACAAAAGGAGAGATATGATCTCAAATAACAGGGGT

>trans_s_8570 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete sequence

CCCCAAGAAGCAAACCAATTTGCTCTAGGGCTATCAGATGGTGGGGTTCATGTCTTCGAACCACTCGAATCAG
AAGGAAAATGGGGTGTGCCTCCACCTGTCGAAAATGGATCAGCATCAAGTG

>trans_s_8571 CP001574|Micromonas sp. RCC299 chromosome 1, complete sequence

CTTCCCTTACGGGGTTTGCGATGATTATAAAAAATTCCTCGTTCTGAATGCTATTAAACGCCGTACTGTCTGTGG
AATGTGGGTATCTTATACTCGTGATAAGGTAAGAATGACCCACTAGATAG

>trans_s_8572 FJ196315|Auxenochlorella protothecoides ribosomal protein S5 (RPS5) mRNA, complete cds

GGGAGGGGAGACCTTAAGCGGTGGAGAGCTTCAAATAAAGGGCTCCTTCAATAATACAGTCGTTTCGCTTCTC
CCCTCTCCTTACAGTCGAGAGCGGGACGCCAAATCAGATAGCTCGAATCTC

>trans_s_8573 DQ812086|Cucumis sativus NO3-stress-induced mitogen activated protein kinase mRNA, complete cds

CATTTGACCCAACAAAGAGAATTACTGTTGAAGAAGCATTAGCACATCCATACCTAGAAAGATTGCATGACAC
AGCCGATGAGCCGGTTTGCTCAGAGCCAGAGAGACCCAGTGGGGTCGTGAA

>trans_s_8574 XM_002884559|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAAGAACACATGAGGTAGCACAGCAGAAAGCTATTCAATGTTAATGGAGGCAAATTGGTGTATGGAGCATT
TGAGAAGATGCAACCTAAGGGCTTTATCTGCTCTTCACTCGAAGCTCCATAC

>trans_s_8575 X56263|N.tabacum auxin-induced mRNA (pCNT103)

GAGTCTTCTCAAGCTAGAGGAGACTCAGACGTGAAAGAATAGAGATGACTCTCGCAAAGGATCAAGGGTGAA
CAATGTGTTTGGTCTCGTGTTATATGCGTATTCGTTCAAATTGTATCCACTT

>trans_s_8576 DQ888719|Petunia x hybrida P-type ATPase (PH5) gene, complete cds

GGGGCTAAGCGATCTGCAGGTGCTATACCAAGAGAATGACAGCTATTGAAGAAATGGCCGGTATGGATGTA
CTTTGCAGTGACAAAACCTGGAACGCTGACTCTTAACAGACCAGACACCACAC

>trans_s_8577 AJ310426|Hordeum vulgare mRNA for cathepsin B (cathB gene)

GGATCCCAATGATATCATGGCAGAAGTTTATAAGAATGGACCAGTCGAGGTTTCCTTACAGTGTATGAGGAT
TTTGCTCACTATAAATCTGGCGTTTACAAATATATTACCGGCGATATAATA

>trans_s_8578 FJ842777|Brassica rapa subsp. pekinensis isolate BrCNL11 disease resistance protein gene, complete cds

GGGTGTTCTGGAATGGTTGTCTCTATTTGTTTATGAAACAGATCCAGTCGATCCTGCATTAAAGGACTAGACC
AGCGTTTCACCTCAAGTATTTCAATGTTCTTAATAGATTCCATGCTCATT

>trans_s_8579 NM_001065964|Oryza sativa Japonica Group Os07g0405100 (Os07g0405100) mRNA, complete cds

CTTTAGACCTCGTGCTTTGTGACTTCACTGTTGAATCAAAGATGCACTAGCCAACACCAATTGCTGGTTCGGA
TTGTTTGTACCCGGTCCAGTAGGACTCCATCTTATGGTGTATATTCCTT

>trans_s_8580 NM_117266|Arabidopsis thaliana PGRL1B (PGR5-Like B) (PGRL1B) mRNA, complete
cds

GATACGATGTTATAAGAAGGACATTACTATCAACAACCTCATCTCCCTCAACCTGACCTGGTTGATCAGTAGTT
GCTCGAGGAGGTGGAAGAAGGACTTTCCGGCGAAGGAACAGGCGGCGACT

>trans_s_8581 GQ141514|Solanum tuberosum cultivar Bora Valley chloroplast manganese
stabilizing protein-II (Msp-II) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

TACACTTTGCCTTCTCCCACCCAGAAAACAATTGGTGGCTTCTGGAAAACCAGAGAGCTTTGGAGGAGACTTTT
TAGTCCCATCTTACCGTGGCTCGTCTTTCTTGACCCAAAGGGTTCTCCT

>trans_s_8582 XM_001692079|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTAATTAGACCTTCACAATTCATCACACCAATGCAGGAAGGAATATAAGTGAATGGGAGACCACCGAAGCTG
GGCTGGGCCAAGTGATAGGTTATTGTTGGTTGGCTTTGGGGCGGGTTTTGG

>trans_s_8583 NM_001051777|Oryza sativa Japonica Group Os01g0923800 (Os01g0923800)
mRNA, complete cds

CAGAGTTTACGACACTGACTTCTCTTCAGCAGCTCAAGACCATTCTACGCAGAGAAAAACAAGAAAGATGTT
TTGGGGGATGACTCTTTCATGATTCAGACTCGATCATTAGTAGATGACCAA

>trans_s_8584 AB083031|Glycine max mRNA for syringolide-induced protein 13-1-1, complete cds

GGGGAAATTTTTCATGTCCTGTGACGAAACAGGAATTGACTGTTTTCGACCTAATCCCTAATCATGCATTGAGG
AGGTTGATCCAAGATTGGTGTGTTGCAGGCTAACTGCGTAAAACCAGATA

>trans_s_8585 XM_002325664|Populus trichocarpa BED finger-nbs-lrr resistance protein, mRNA

AAAACCCATTAGAAGTTTCTTCAAGAAAAAACCCCTTCAATTCTCTTCCATCATTGAGAAACCAAAGCTTGA
AGCTTCTTATCTCTTTGTCTCACCTTGATACAGCTTCTGGAGCTCTAGAT

>trans_s_8586 AF039851|Glycine max ferredoxin-dependent glutamate synthase (glu) mRNA,
partial cds

AGCCACTGTTCCAATTCCAGCTTCAGCAACCAGCTTCACTGATACCTTAGCCTTTGGATTCACCTGATGAAGGT
CAATATTAAGTGTGCAAGATCCTCTATAGAATAAATGTCATGATGTGGA

>trans_s_8587 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

TCTAGTTGCTGGTTGGGCCGTTCAATGGCCCTATACGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGATCCTGTTCTTGA
TCCATACACCTCTGTCCCATACAAGCAATATGGGAAGTACTGAGCTCCG

>trans_s_8588 Novel Gene

ACGAGTAACGTGTCACCCCGGGGTTCTTCGCACCTGGATAGTACCAGGACCCTTGTGCCCCGGCCCTTGATC
AGATAAACCGCCCTATGACCCACAAGTCAAAATGAGCCTTGCGACGAGACG

>trans_s_8589 BT010132|Arabidopsis thaliana At2g27890 gene, complete cds

GCCGCCAGATACAGTTCAAGTTGTTAGTTTTGCTGGACTTGTTGGTGATGGGGCACCTTTGTTGTACATCTG
AGGGTAACTCGTCTAATGGCAAGGTCCCACGTTCAAGTCAACAAGC

>trans_s_8590 AB491666|Prasinoderma coloniale Btub gene for beta-tubulin, partial cds, strain:
MBIC10720

AGTTCATCAACTAGTTGAAAATGCAGATGAGTGCATGGTCTTGACAACGAAGCTCTTTATGATATCTGCTTCC
GTACTCTCAAGCTCACCACTCCAAGAGGGTGTGATTTGAACCATTTGACT

>trans_s_8591 Novel Gene

GACCGGTAGACTTGTTGTTGCTTCTTACTGGTGAAGTCTCTCAGATCCCGGACTACCTACAAGTACAAAGGCTT
CGTATCCGGTCGGGTCCCGAGTAAGTGCAGGCCCCACTAGAATGTGCCCGGG

>trans_s_8592 XM_002331883|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

CTCGTGGTTTGTCAATTGGAGGTTATGTTGCGATTGCAGCTGTATCCATAGCCACATTGCCGCATATCTTTTCGC
AGCTGAAGTGGTATTATATACTTGTCTACGTGATTGCACCACTACTA

>trans_s_8593 M22826|Oryza sativa chloroplast ribosomal protein (rpl23, rpl2 and rpS190) genes,
complete cds, ribosomal protein L22 (rpl22) gene, 5' end, transfer RNA-Ile and -His genes

GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGATTGTGAATCCACCATGCGCGGGTTCAATTCCCGTCGTTCC
GCCCCAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAAC

>trans_s_8594 EF514213|Solanum tuberosum strain P6/210 contig r1, complete sequence

CCTGTTCTGGTGGACCATAGAGAAGATACCCACGTTTCCAAGCCTTCCCAATTCGAGCATAAAAATCCTTACT
GCTTGTAAGGTCTGCAAATCATCCATAATCTCTTGCTTTTCTCTGCTT

>trans_s_8595 AY110267|Zea mays CL25415_1 mRNA sequence

CCCCGGCTTTTATTCTCTGGAGAAGCAACGAGTAGAAGAGTTGGGTGGCTATGTTGATGGTGGCTATCTCAAT
GGCGTTTATCGGTTCTCGAAATTCAAAAAGCCAAAGTGGTCCTAGAAAG

>trans_s_8596 M32604|Tomato ATP-dependent protease (CD4B) gene, complete cds

TTGTTCCATTGGCGAGCCTGGTGTGGGAAAAGTCTATTGCAGAAGGTCTAGCGCAAAGGATTGCTAATGG
GGATGTCCCTGAAACAATTGAAGGAAAGAAGGTTATTTGGGACCTATACCTT

>trans_s_8597 XM_002887447|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GDSL-motif lipase/hydrolase family
protein, mRNA

CCTCAGTCGTCTGAAATCCATATTCACCTTATCCGTTAATGGAAGTGAATTTGATAGGAGGACTTGTTAATGGAA
CTGATTTGAAATTCAGTCGCTTCTCTCTCTCATGAGAGACCTAGCTTCA

>trans_s_8598 XM_002884875|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata methyladenine glycosylase family
protein, mRNA

TGAACAACAAACCATTCTCACCGCAGTACAAATCCGGCCACAAAATTCCGGTAAAGACATCAAATCAGAAAC
CATAAGCAAAGACATGTGAATCAGAGGTTTCCAACCTCCAGCCAAAACAAAC

>trans_s_8599 NM_100653|Arabidopsis thaliana HTB1; DNA binding (HTB1) mRNA, complete cds

TATACACTAATGGGTTCGAGAAATCTCTTGTCGTTGATTAGGGGTGTTGTAGCGAGCGAGCTTTGAGGATTCC
TGAGCGAGCTTCTCGAAAATGTCGTTGATAAACTGTTTCATAATACCCATG

>trans_s_8600 NM_102109|Arabidopsis thaliana ATSAC1 (suppressor of actin 1);
phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 5-phosphatase (ATSAC1) mRNA, complete cds

ATAAACACTATTCTGAGTTATGTGAGGGCCCTGCTATGATGTCTTTCCAGAATGATCCTGAAAGGGAGATGCA
CTATGCTGATCTTTACGCTTGGGTGCAATTGATGTGATTGATAATGCTTC

>trans_s_8601 DQ888719|Petunia x hybrida P-type ATPase (PH5) gene, complete cds

GGGGCTAAGCGATCTGCAGGTGCTATCACCAAGAGAATGACAGCTATTGAAGAAATGGCCGGTATGGATGTA
CTTTCAGTGACAAAACCTGGAACGCTGACTCTTAACAGACCAGACACCACAC

>trans_s_8602 DQ069425|Typha latifolia ribosomal protein L14 (rpl14) gene, partial cds;
chloroplast

ACAGGTGCCCTCCAGACCCACGAGAAAATGGTATGATTTATGCTATACTACTGTGCGGTGCGGTTTGGCGTGA
TCAAGAAGGAAATCCAAAAGGAACTCGGGAAAAACACCGCGGTAAATGAA

>trans_s_8603 DQ131178|Populus deltoides lipoxygenase LOX1 (LOX1) mRNA, complete cds

TGGAGCCATTTTCGTTGAGAATGAACATCACAAAGAGATTTTTCTCAAGGATGTTGTCATCGAAGGCCTCCCTT
CTGGCCCTCTAAAGAAGCAGACGAGAAGAACCCAATTACTTCCCCTTCAT

>trans_s_8604 U74466|Brassica napus tapetal oleosin-like (BnOlnB;4) gene, 5' upstream sequence
with promoter activity

ATGAGCATATATGTTTCCCTTTTGCCTTGTCTGGTGGGCCTTGGGGAATTATGTACTAATAATGCTCAAATTAA
TACCAGTTTGGAGTTTGTGCTGAGGCTTCTGTGCTCTTTTAACGTGCTTGGA

>trans_s_8605 XM_002309092|Populus trichocarpa auxin influx carrier component (PtrAUX1),
mRNA

AGATAAAGAATCTCAGTCTCTTTTCAGTGTTAAAAACATCCTCTGGCATGGTGGCTCTGCTTGGGATGCTTGGT
TCAGTTGCGCTCTCGGCTGGACCATCTGAACCTCACCGGTCTCATTACGC

>trans_s_8606 NM_102560|Arabidopsis thaliana LTPG1 (GLYCOSYLPHOSPHATIDYLINOSITOL-
ANCHORED LIPID PROTEIN TRANSFER 1) (LTPG1) mRNA, complete cds

CCTTCTGTTTGTCACTTGAAGAACTCCAGTGTTAGCTATTGCCCAAAGCTTCTGGGGTTACCAGCAAATTCACC
GGATGCTGCCATTTTGTGCAATTTGTGGAGTGGCCGCTGTGGCCGTGAAT

>trans_s_8607 DQ099681|Solanum lycopersicum ethylene overproducer-like 1 (EOL1) mRNA,
complete cds

TGACATTCAAGCCATTCTTACTCTCTCCCCTGATTACCGGATGTTTGAGGGGAAAGCTCGGCGTAGCGTTGACA
GAACCCCTTGTCGTGAGCATGTTAGTAATTGGACAACAGCAGATTGTCAA

>trans_s_8608 AF035936|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol 4-kinase mRNA, complete cds

CATGCTGGAGAAATTGCTGGTATGAGAAGGTTGTATAACAGCATTGGTGGATTTCAGACTGGCGTTGCTGGTT
CAACTGGTCTTGTTTTGGTCAGGGCCTTCGAGAATCAGCTGTCAAGATGT

>trans_s_8609 XM_002873919|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2734, mRNA

GGCGGCAGCAAATCCTGAAACCTATCGCGATCAGCAGAGTTGGACAAGCACTGTATAAAGCTAATAACAGCA
TTGAGAGCCGCAATCTTCACATCGGTGCTCGATGTGGTTGACGTCAAGCACT

>trans_s_8610 NM_001070857|Oryza sativa Japonica Group Os10g0209700 (Os10g0209700)
mRNA, complete cds

GGAAGAGAATAAGGAAGTTCAAAGGTGTAGAGTCGGTGGAAACAGAACTGGCCAACAATCAGGTCATTGTA
AAAGGTGTTATGGATCCGGCGAGGTTAGAGCTAGTACATAGCTCTCTCCTACT

>trans_s_8611 DQ014509|Eucalyptus grandis cellulose synthase 5 (CesA5) mRNA, complete cds

TTGACAGGAGAGGTACCCGGAAACTGATCCAGAAGCCAGGAAAGGGCAAACCAAACCTTCACAAATAACTGAT
GTTAACCACAAGGGGTATGCATCTTTCACAGGGTGTGTTAAACGGTACTGTA

>trans_s_8612 Novel Gene

TTTGACCTTGGTCTCTGAACTGTGACCTTGAGTACCTTTATCTGTCTGATGAGTAGTACTTTGACTTCTGAATTAC
CGCGAGATCGGTCTGCCTTTGGGCAATTCAAAGACTTGACATTCAGAGA

>trans_s_8613 XM_002884915|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

TGGTATAGGTGCACTGTACGTCATCCTGATGTTTCAGCATTAGAGGAATGGATCAGTACAAAAGATTATTCAA
ATGACGAGTCACCATTAGTTGTCCCCAACACCGTGTAAGCCACTGCTTC

>trans_s_8614 AM777385|Lolium perenne complete chloroplast genome

GAAGGCCGAAGAGGTCCAACCACAGCAAGTCCTGTTTGTAGCCACAATCTTTGAAAAAGCAACTAATTCAACC
AACCATATCTTCAGCTTAAATTTCCCATCCCTTAGTTGTCTTTGTTTTGAA

>trans_s_8615 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

ATTAAATACGCGACAGGGTATTGTAAAGTGGCAGAGTGGCCTTGCTGCCACGATCCACTGAGATTCAGCCCTT
CGTCGCTCCGATTGCGACTAAGGTTAATCGTCTCAGGAGTTCCTTTCGTGTA

>trans_s_8616 Novel Gene

ATGTAGGGGAGCGGGAATAAGCGAGAAAGAGGGAGAATATCCGTCTTTGTCCATTACTCTTGATGGATTAAT
ACCATATGACGATCACTAACCTGGTAGAACGAAGGTTACCAGCCTAGTGCGC

>trans_s_8617 CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

CCATAAGTCAGGATCAAGAGATGAAATGTGATAATGCCACGAGTCAGGATCAGGAGATGCAATGTGACAATT
CCAAAAGTCAGGAGCAGGAGAAGCAACTTGGTAATGCCACAAGTCTGGAGCA

>trans_s_8618 L42837|Chamaetrichon capsulatum large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial
sequence; chloroplast gene for chloroplast product

CAAGAAATGGAAAGGTTTGCTTCGCAACATGCTTTGATTCAAGTATTCTATCGGACCTTCAAGTTAAAGAAGG
GAAGTTGATCCGTCTAAAGCCAACATCTGCTGATATTGTATATAGCGAGCA

>trans_s_8619 NM_179754|Arabidopsis thaliana plectin-related (AT2G26770) mRNA, complete cds

GATCAAAATGCTCCATCAACCAAGCAAGGTTATGGACATGGAACATGAGCTTCATGCATTGAGACTGCAACTT
GCCGAGAAGTCCAAGTATTCCATACTACTTCAGAAAGAACTTGACGCGGAT

>trans_s_8620 AY111076|Zea mays CL40246_1 mRNA sequence

TACAAATCTAGATACATCAATTCCGGACACATATAGATCACCTCCATTGCCTATGCCATATGATGTTGTTTAAAC
AAGTCCACTTACTCCACCTGTGGCTCAAGAAAAACCGTCGATAGGAGGA

>trans_s_8621 NM_001125728|Arabidopsis thaliana CPuORF21 (Conserved peptide upstream open
reading frame 21) (CPuORF21) mRNA, complete cds

AAAGCTGATGGATAGATCAGATACGTCGGGCTTTGTTAGCGGTGGAGGTAGTAGTAATCTGTTAGAATCTGTT
TTGGGTGCTGATATGTACATCTGCTTTTAGTATTCTCCGTGTTCCACCAAC

>trans_s_8622 NM_001052089|Oryza sativa Japonica Group Os01g0974400 (Os01g0974400)
mRNA, complete cds

AGAAGTGGTTCTTTAGAATGTGTTTCGAGAATTACTTGCGTGGGGAGCAGAAAGATTACAAGTTGATTGAGCTG
GGAGAATACCCTACACAGTTGCTATGAAGCGCAAGAATCGGGCATGTGCTG

>trans_s_8623 XM_002883061|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl hydrolase family 1 protein,
mRNA

GGACTACATGATACTACTAGAATCAACTTCTACAAAGGCTATCTGACACAACCTCAAGAAGGCAGTTGACGATG
GAGCTAACGTTGTTGGATATTTTGCTTGGTCTTGCTGGACAACCTCGAAA

>trans_s_8624 AY110267|Zea mays CL25415_1 mRNA sequence

CCCCGGCTTTTATTCTCTGGAGAAGCAACGAGTAGAAGAGTTGGGTGGCTATGTTGATGGTGGCTATCTCAAT
GGCGTTTTATCGGTTCTCGAAATCCAAAAAGCCAAAGTGCAGGATCTTTG

>trans_s_8625 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

CACCGCTTATCCGGATATTGATCCAAGTTATCTAATTATTCTTTGTTTTGTAGTACAATACTTTACTGGATTTCAC
TTCATTTATAATATTATCATTTAGTTTTCATTTAAGTTTATGAAATT

>trans_s_8626 X56897|S.chacoense mRNA for self-incompatibility associated protein

ACAGCGCAGAGATCGGCAAGCAAGGGCGAATTTTCCAATACTTTTTCCACAGTTTCTCTTCCAAATTTCTTTAA
TCTGTAACCATGTCTCAGACTACTGTCTCCGGAACCATCGCACTGCACT

>trans_s_8627 GQ373182|Arabidopsis thaliana callose synthase 10 (CalS10) mRNA, complete cds

ACGGCGAATCGAGCGCTTTGTTTTGCTTCCTCCCGCAAGTTTTGCTTAATAACAGACATTAATCCGGTCTTAA
ACTGAAGAACACCTCTACCGTCGCTGTTAGGATCCAAGTTTTGAGCCATT

>trans_s_8628 X75898|S.oleracea pgm mRNA

GATCACGAGGGCAACCCAATCAATGGTGACAACTCATCGCCCTAATGTGCGGCCATCGTCCTTCGAGAGCACC
CTGCCACCACCATTTGTACCGACGCCCGTACCACACAACGAGACACAAACA

>trans_s_8629 HM628904|Fagopyrum dibotrys phenylalanine ammonia-lyase (Pal) gene, complete cds

CTTCTTCTGGTCTCTACAACTCTTCTAATTCCAACCTCAAAGACGCTCTTCAATGTCAAGTGGCATGCTCCAACAG
ATTGAATTCTGGGTTTGAGAACAATCAAGATACTTGCAATTGTGCTGGA

>trans_s_8630 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

ATGGGCTAGGGTATCCCGACCTCGATATGTGAAATCGTCTTGCGCCATATGTACTGAGATTGTTCTGGGAGACA
TGGTCCAAGCCCGCTGAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTC

>trans_s_8631 NM_001068036|Oryza sativa Japonica Group Os08g0305300 (Os08g0305300)
mRNA, complete cds

CATTAGATTTGTTTCGTCTAAATGGAATTCTTTTCACACGCACAAGCCTAGAGACCTTTACAGAGGTTCTCTCATT
GGTTATCAGTAATTTCTCCGAACCTTTGGCTTGTGGACTCAGTCTCTCC

>trans_s_8632 Novel Gene

ACAGTGGTTGTTCTAAACACATGACAGGAAACAAATCCTTCTTTTCTGAACTAAAGGAATGCACTTCTGGTCAT
GTTACACTTGAGAGTGGTGCAAGAGGACGAATCATAGCGAAATGAAACAT

>trans_s_8633 AB001684|Chlorella vulgaris C-27 chloroplast DNA, complete sequence

GACCAGAATCCTCTCCGACCCGCCGTTTCATGCGCTCGACTTGTCATGTATTAGGCACGCCGCCAGCGTTCTGTCCT
GAGCCAAGATCAAACCTCTCCATAAAAGTTGTGTTTCTTGTGCTTCAGAAG

>trans_s_8634 AB038692|Vigna unguiculata S1-3 mRNA, partial cds

AATTACGGCACGCACAAGCACACAAGTAAGTTTTCAAATTTCTAGTATTTTGAAACCCATACAACATGGTCTTG
TGGAAGGAAATGGCAAACCGGAAGTGTCCCTGGCTTCACCTTCAACACC

>trans_s_8635 DQ335217|Nicotiana tabacum small GTPase Rab5b (Rab5b) mRNA, complete cds

ATTGTTCTTCGCTTTGTCCGTGGTCAGTTTGATCCAACGTCTAAGGTAAGTGTGGAGCATCATTCTTATCACAA
ACGATAGCTCTCTGGAGCCTTGTGGTAACAGGACCCAGGGCGCAAAGC

>trans_s_8636 NM_130138|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive family protein
(AT2G45750) mRNA, complete cds

TCTCAACATTTTCATTCATTCAATTCGCTTACGGATAAACAAGAAAACATGGCCGGTAGATTCGCTATTGTTCTGG
GTTTTGCTCTGTTTTTATTCTTGAATAAAGGCCCGCTCAGACTGTTTA

>trans_s_8637 XM_002314999|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

AGTGGATAGTTCTTACCTTGAAGCTCAGATGATGTTGCTAAGTTAATGGAGAGGGTTGAGAACACATTCATC
AAACATTTCTGCAACGCCAACCGCAGCAAAGGGATGAGTATTTTAAGACC

>trans_s_8638 NM_101234|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol 3- and 4-kinase family
protein (AT1G13640) mRNA, complete cds

GCAAAAACACCGTATGAGCATTGTCATTACGATCTAATTCCATTCCCAGGACACATCCCGTATCAGTTTGCACA
AAAAC TTGTCTCCTTCCAGTGGGCTGTTTTCAAGAATCGCCCTTTCCC

>trans_s_8639 AC012477|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone C6L9, Chromosome IV,
complete sequence

AACTCGCAGTCCACCGAAGCACATCAGCATCTCAAGTTTTCCGAGATGTGAATTGTGAAGTTTAGATTGGGGT
TACTAATGAAAAGAAGAGGGTTTTGGAAATTTTAAGTCCAGGTCCCCC

>trans_s_8640 Novel Gene

AGAAGAAGAAGTAGGAAGCGACGCTAATTTACACAGTCAGAGTACAATGCAGTGCTCAGGTCAGGATTCAAC
TGGGTATGATTCTGAATATTGCTTTAGAGGGCAGGGAGTGCTTTCTTGATCC

>trans_s_8641 AB371711|Nicotiana tabacum NtTIP1:1 mRNA for tonoplast intrinsic protein,
complete cds

TCTTGTCGGGCGTCAGGTGTGGATTATCTCTTTCCCTGTTGCCTATATTGTGTATGGTCAAAGTTGGGATGTT
CTAGACTGACTTTCTTGGATGATGTCTATGTTTCTGTCCACTTGTGCCG

>trans_s_8642 XM_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

GAAGGGATGCATTTAACTGCTGGTTTACTGTAGTCGGTTGGGCCCTTGGGCTAACAGATTATTTACTTCCCAG
AACTGAAGAAAATGTTGGTCAAGAAAATGGGAATGGAGAATTCTGGTTGG

>trans_s_8643 XM_002881496|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WD-40 repeat family protein,
mRNA

CAGAATCGAATCTTTATATATGATTGGAATAATGAAAAATAGGAATATTTTGAATTCAAGGAAACAATTAT
GATGAGTCATTAGAATCATGATAGATTATTTGAATCTATTCTAAGGATTA

>trans_s_8644 AY104468|Zea mays PCO120622 mRNA sequence

AAATTACGTATTTTTTTTCGCGCCCCGCCGTCCAAGTCCATCATCTCCATCCCCCAGGCCGCGTAGGATCCCT
GTCTTCGTGGCCGTCCGCCTACCAAAGTGGCGGTTGCAAGGACCTCC

>trans_s_8645 X83767|P.sativum mRNA for chloroplastic outer envelope membrane protein
(OEP75)

TGGATTTGAGAGGGTTGAGTGTGTCTTTCATGTTTGTTCTTCATTTGGGTGTCTCTAGAAGTTGTTTTAAAGTC
ACGTCGGTGGATCAATTTTTTAAAAATAAAGATCTTGGTCGTTTCCCT

>trans_s_8646 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

TCTCGAGCACAGGTTTAGGTTCCGGCCTCAATGGGAATTATTTTGCCTCGTGGATTGTTGCATAGAAGTGTCTG
GTTCTTGATGCTCTAGCGGGGAAAGTAAGACCCCACTGGGAGGAGCTACG

>trans_s_8647 AC012477|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone C6L9, Chromosome IV, complete sequence

AACTCGCAGTCCACCGAAGCACATCAGCATCTCAAGTTTTCCGAGATGTGAATTGTGAAGTTTAGATTGGGGT
TACTAATGAAAAGAAGAGGGTTTTGGAAATTTTAAGTTCAGGTCCCCC

>trans_s_8648 BT015720|Arabidopsis thaliana At5g65200 gene, complete cds

CTAGACGCCAACGCCGTCGAACTTTTGGTCGGAATGCTGAGGGAGAAAGAGCTGAACTCCGAATCAACTCGC
GAGAACTGCGTTGCGGCATTGTACGCACTGAGCTACGGAAGCATGAGATTC

>trans_s_8649 M88258|Arabidopsis thaliana

CAACGGAAAAAAACGGAGCTGATTGACTCGGCACAACCTAACGATGCATCCAATACCACTGTGCCTAGAAT
GCCTTGCTAGATCTCTGCTCCTTAAAGCTATACAGTACCTTTCGCGACTC

>trans_s_8650 NM_112195|Arabidopsis thaliana OVA5 (OVULE ABORTION 5); ATP binding / aminoacyl-tRNA ligase/ lysine-tRNA ligase/ nucleic acid binding / nucleotide binding (OVA5) mRNA, complete cds

AGATGCTGGTGGCATTCCATATTCCAGAGCTGTAAGAAAATCATCGTCAAGTGTCACCTTCATAAGAATCATCTT
CACAGTTTGTGCGATTGAAGTCCAAAAAGTCTGTTCCAGAAACAGCTGA

>trans_s_8651 NM_101234|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol 3- and 4-kinase family protein (AT1G13640) mRNA, complete cds

GCAAAAACACCGTATGAGCATTGTCATTACGATCTAATTCCATTCCCAGGACACATCCCGTATCAGTTTGCACA
AAAATTGTCTCCTTCCAGTGGGCTGTTTTCAAGAATCGCCCTTTCCC

>trans_s_8652 HM131621|Climacoptera lanata voucher XJBI:M.L. Zhang, Z.B. Wen, G.L. Zhu 082086 internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

TGAACGTATACTCCCTGCGGGATTTCCAAACCTCAGAGAGAGAACGCCCATAGATCTCCATACCTCGGAGAGA
GAGAAAACGCCGATACATCAGAGGAAATACCATAAAAGTTTCTGTCCAGG

>trans_s_8653 Novel Gene

GAAGATGATCAATTATTGCAGTAGTTGAGGCCTTTTCCTTAGCCAGGCTAAACTTACTTGTTGGAGCACATAGA
GCTAATGGACAATGGTTGCATCAATTGAATACACCTAACCCACACGGTG

>trans_s_8654 CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

GTCCCAAAAATCCCATTGTTTCCCTAACAGTTTCTTGCAGATTCTCGAGTAAATCTAAATGCACCCGTCTCAG
GAACATAGCTAGTGGAATCTTGGATGTATGTGTAGTAGTATATTGACT

>trans_s_8655 EU824139|Populus tremula isolate swl328-64E single-stranded nucleic acid binding
R3H protein gene, partial cds

TGTGCGTTTATCTGAAATACCTGCGAAGCAATTGGACAATGAGAAACATGAGCAGGTCAAGATTGTCATCAGA
CCTAGGCCCAACCCCTCGTGAGTTCGGGAGTAACCGTCCTTCTTGACACC

>trans_s_8656 AY091466|Pisum sativum anther-specific protein (end1) mRNA, complete cds

AGAGCACTTCAGCTCTTGTACATATGATGATGATGATGATAAGCTTGGTATGCGCACTCTCTTATTAATATGGT
TGTGCTTCATTTTCATGTTGTTGGGCTATGTTATTGCTCAGTATGTTGT

>trans_s_8657 NM_001067137|Oryza sativa Japonica Group Os07g0672500 (Os07g0672500)
mRNA, complete cds

CGAGGTGGTCTTCGGTGCTTTGGGGAACCATGCTTATATATTTTCAGCAACTTATGAATGAGGTTTCAGTTAAA
GGTTTAGATGTTTCAGAGTGGTGTGGAAAATCTTGCAGCTCGAGTCTCT

>trans_s_8658 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

ATTTCAAGCACTATTTGACTCTCTTTTCAAAGTCCTTTTCATCTTCCCTCGAAATCCCCGATAAAGCTGCTAGT
ACCAGGTAAACTCATATTGGCCAAAGTGAAAAAGAAGAAAATGGTAG

>trans_s_8659 NM_103599|Arabidopsis thaliana AtRLP6 (Receptor Like Protein 6); protein binding
(AtRLP6) mRNA, complete cds

TGCTGGATTTGTCTAATAATAACTTGAGTGGCATGTTTCCCAATGTCTAACTGAGAAGAATGATAATCTTGTC
GTACTAAATCTAAGAGAAAATGCCTTAAATGTAGAGCGGAAATTACGCG

>trans_s_8660 XM_002866197|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 23,
mRNA

GATGGGTCTGAGCTTTTGGAGAATGGGTTGGACCCTGAACTCAGTTTCGAGATCACCTTCGCCGAATTGGTG
CTGGCTTGCAACGAGGTTTCCACAAGTGGGGAGACCAGACTGTGGTGTC

>trans_s_8661 AY435416|Prunus persica microsatellite pchgms51 sequence

AATGTCGTCAAATTCCTATTGTGGCTTTTGTTTAAAGAGTTTAAATTTTCTGCTTTTTTAATCAGTTTTTCTCGT
TAAAGCCATTTACTTTTGGTTTGGGGTATAACGCCCATAGTCAAGA

>trans_s_8662 X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

GAAGAAAGAGATCTTTGCCGGTGCTGACTTGGATCTCGGGTGAGGGAATAAGGCGGCCAGAAGGGAGGAGC
ACGGTCGAAGCTTGGCTGACTTAGATAGGCTAGTGGCTGTAGGCATCGACTA

>trans_s_8663 CP001332|Micromonas sp. RCC299 chromosome 14, complete sequence

ACTCTACAGTTTGTACCGTGGTATACGGCTCAGTTTCGAAAGTAATCGACACGCAAGATTCGAAAAGAATCC
TGCATTCCGGTCTGTTGAGCTTGATCTTTCATGAAATCATCAAAGCCACT

>trans_s_8664 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

GCACAAAACCAAAGCCCTTAGACTGGCCTGATGAATCTGTAGCAACCTTGCAAGATAGAATGCTTCCAAATGC
AGAAAAAGTATCATGCAAGGCTTTGTGATCAATTGCCTTGTCCAAGTTCT

>trans_s_8665 AC007627|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F15F15, Chromosome
V, complete sequence

AAAAAAAAAAAAACGTATAACGCGGCGCGGGAGGATATCAGCTTAGTTGTGGGGCGCGGCCGCCATGCTCATC
GTAGAATCTCGCATGCGGATGGAAGTTTTTGCACGTAGCATCCGCAGGGA

>trans_s_8666 DQ787087|Glycine max bZIP transcription factor bZIP21 (bZIP21) mRNA, partial cds

CCACCCGCAATATTATCCAAATTCATATAAGCAGAGAACAAATCATCCACAGTGTCCTTCAGACTTCTTTTCA
CCCATTCCTTCCAAATGGTTATCAATGCTTTTCTCCAAACTAGGTTCC

>trans_s_8667 XM_002866784|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata VHA-A3, mRNA

GGTCAAACCTGGTGAGCTTGAGGCAGAACTGGTTGAGATAAATGCTAATAGTGAGAAGCTACAACGTTCTTA
CAATGAACTTTTGGAGTATAAGCTTGTCTGCAGAAGGCTGGAGAGTTTTT

>trans_s_8668 EU002503|Guaiacum officinale RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

ATTTGCAGACCAGCCACGGCCTCCAGGGGACGCAAGGCGGAGTATTCACAGGGGGGACTGCAGAACATATA
CGAGCTTCTTCTAATGGCAACCGACAATTCAATGACCGAACCGTTGGCTTCC

>trans_s_8669 XM_001697098|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ACCCCTGAGCGACATGCAACGGCTCACTCGATCTTTGAGAGAAGAGATTCTGGCGCCCATCCTTCCGGCAGGA
CCCGCATACCCGAGCCCCCTCCGTGCCCTTTTTTTTTTGGGGGTAGTTCG

>trans_s_8670 NM_112195|Arabidopsis thaliana OVA5 (OVULE ABORTION 5); ATP binding /
aminoacyl-tRNA ligase/ lysine-tRNA ligase/ nucleic acid binding / nucleotide binding (OVA5) mRNA,
complete cds

AGATGCTGGTGGCATTCCATATTCCAGAGCTGTAAGAAAATCATCGTCAAGTGTCACCTTCATAAGAATCATCCT
CACAGTTTGTGCGATTGAAGTCCAAAAAGTCTGTTCCAGAAACAGCTGA

>trans_s_8671 GQ998095|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 cytochrome b6 protein
(petB) gene, complete cds; chloroplast

AATAGGTAAATAGAAGATTCAAGAGGCCCTAATGATCAATATAACTATGAATGAGCCGACTTGATATTTGGG
CATTATAACTACAAAGAAGACTTTTCGGAAGGGAGCCTCCCTACGCTCCC

>trans_s_8672 Novel Gene

GCATCAGGTCTCCCGAGCAATCTTAGTTATTGGTGGGGGTTTCGGTTCGTTAGCAGGTCTTTGTTTAGTCATTCA
GATAGTGACTGGCCTTTTTTTAGCTATGTGCCGTGTGTTCTGTGTGTCA

>trans_s_8673 NM_001186711|Oryza sativa Japonica Group Os03g0744650 (Os03g0744650)
mRNA, complete cds

AGAAAAGGTTGGTGATGTTGTCTTACCTCCATGGGCCAATGGCAGTGCTAGGGAGTTCATCAGGAAACATAG
AGAAGCATTGGAATCCGACTTTGTTTCGGAAATAAACGTAGTAACCTATCT

>trans_s_8674 EU165711|Eucalyptus grandis cellulose synthase (CesA1) gene, complete cds

GCTGTTGATTGCGTAAGATATCCCTGCTACGACCCCGACCAAGTTTACGATGAGGAGTGTAGTTGGTGGGATG
AGAAGTGTCGTCCATTAAACATGTAAAGCTCAGCATAATCCCCCTCTTC

>trans_s_8675 XM_002875992|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AGCCACTACACTACGTCAACAGGGTGGGGCTATAAGACATGCGAACAACCTCGAGCACCAATGTCAAGGGAAG
AAATCTTGCAACCAGTTAATGCATCACATTCGACGATGTAAGTCCCGATGG

>trans_s_8676 XM_001701138|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AACCTCTCCCAACTGGAATGTGTCATCAGGAAGTTCATATCGGACTATGCAAAGTATGAGAAGTGTGTCATTG
AGACATCCCACGATCTACAGCTTGCAAAGAGTTGGGTCTCAAAAGCTATT

>trans_s_8677 AF356002|Cicer arietinum ADP-glucose pyrophosphorylase mRNA, complete cds

AGCATCGGATTTTGGGCTAATGAAGATCGACAATAGCGGAAGGGTTATTTTCATTTCAGTGAAAAGCCTAGAGG
GAAAGACCTTAAGGCGATTTCTGTTACACCACTTTTAGGACTGTCTCT

>trans_s_8678 EU373038|Gossypium hirsutum gland development related protein 47-like mRNA,
complete sequence

TGAGTTCTGCTTCATGTTTTTGGGGTTTAGCTCAAACCTAGGGCATCTTCTCTTTATGCTTATGTTTATAAGAAG
TTGTAGTTTATATGTTGATTAGATTTCTTCATGAACTGGTTCAAAT

>trans_s_8679 AY027437|Arachis hypogaea serine/threonine/tyrosine kinase mRNA, complete cds

GATGTGTAACCTCTCCGCGGCGGTTAACTATGTTGAAAAGTATGGTTGTCATTTGCACGCCGTCGCAAGCC
TTGGTGATTAAAGATCCGAGTGTGAGACTCATTCGATCCTACACTGCTGT

>trans_s_8680 BT011949|Arabidopsis thaliana At5g16510 mRNA sequence

ACATTGGATTGGACCGGCCAAGCTGGTCCCTTACTGCCTTCGCAATCTCGAGAAAACAGGCTTCAGCTGTAAC
TGCTGCTTCTGGTAGCCTAAGAGTTTGAACTCCCACTTATCTCGCACCT

>trans_s_8681 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

GCACCAGCTTTAAAAGAATTTGTGCACATCCATTGAATCCTATATGCCTATCAATTGTGAGAAAATTCGCTAGC
TCAGAAGCATCTAACTGGAACTTGCTATTCGTTTGCCCAACATATTTT

>trans_s_8682 X65974|N.tabacum mRNA for glutamate-1-semialdehyde aminotransferase

ACCGACCCTGACCCTCAGATCAAGGGGGTCCATAAAGCAGAATTCCCTTTGGTGGCTTTACTCCAATGGATTTA
AAAAGCTGTGGATGTCTCAGAGGAAGTTCTACCAATTCACGAATTTGTG

>trans_s_8683 EF135571|Neoscortechinia kingii maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

CATGAATGATTTGGCCAATCATGAATGATTGGTTATGAGACCATGTAAATGAGAATTTTACTTAATAAATCCTC
AAGAGATACCAAACCCCGGACCCCGGGAGCGGCGTAAATGGGACAAAA

>trans_s_8684 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

CGAAGCACCTCTTTTTACACTATTTTCGGAAACCTAAGGACTCAATCGTATGGATATGTAAAATACAGGATTTC
AATCCTAGCAGGAAAGGGAGGGAAACGGAACAGACCCCGGGGTGACCG

>trans_s_8685 U09988|Glycine max Williams 82 mitochondrion NADH dehydrogenase subunit I
(nad1) gene, exons D and E, partial cds, and maturase-related protein (mat-r) gene, complete cds

ATTTTCCCATTTC AAGAAGATCCCGGGCTCGATCTGGTTTAGTATCAAGGTGATTTTCTTCTCTTTCTATATAT
ATGGGTCCGTGCAGCATTTCGCTCTATAGCAATACTAGCGCGCCGTT

>trans_s_8686 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

GTACTTGTATTA AACTGCTTCTAAAGGTTCCGCCTCATTAACAATGGAAGCAACTGCTTTGCTGTGAATATCT
ATTAGGTTGTACAATGATGATGCTCTGTTGTAAATTCATTGTCCCACT

>trans_s_8687 EF053057|Thellungiella halophila Na⁺/Pi transporter mRNA, complete cds

TAACGTTTCGCTCATATTGCAAAGAAGGAAAGCAGAGAAACACAAGCTGACGATAAGCCATCGTTTAGGGAA
CTGTTTCCACCATGGAAGTTCATCACCGAGCTCTTCTTCTTCATCATCATC

>trans_s_8688 AJ313384|Theobroma cacao mRNA for aspartic proteinase (ap1 gene)

CAAACCTTTCCA ACTGCCATTTGGCCGTTCCAGTGCAAGTTCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCTACGAATGCC
CCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCTAGCTCCGAAGCGGCCACTCGT

>trans_s_8689 XM_002303962|Populus trichocarpa tubulin alpha-2 chain (TUA2), mRNA

CAC TTCATTGAGATTTGATGGAGCCATCAACGTGGACATAACAGAGTTCAGACGAACCTTGACCATATCCTC
GCATTCATTT CATGCTCTCCTCATATGCTCCGTTATCTCAGCAGAGAA

>trans_s_8690 EU583456|Betula pendula histidine kinase 2 (HK2) mRNA, partial cds

GGTGGAGGTGTTTTATGTGGAGGGGTTGCTCTGGTGGAGCTGGGGTTTTTCTCAAGCTCTCTAGGTACTTACT
GAGGATGTCTTTGAGCTGCAAGTTCTCTACTGCTAACGGGAACCTTCCTC

>trans_s_8691 AJ246011|Capsicum annuum mRNA for partial glyceraldehyde-3-phosphate
dehydrogenase, subunit GapC1

TTCTGTGTTGGTAGTGCAACTGGCATTGGACACAATGTTGAGATCTGTGTTGTA CTTCTCATTAAACACCAA
CAACAAACATCGGGGCATCCTTGCTTGGTGCAGAGATGATAACCTTCTT

>trans_s_8692 EU878778|Hordeum vulgare subsp. vulgare Adf2 (Rpg4), RGA1, NBS-LRR-S/TPK stem
rust resistance protein (Rpg5), and ADF3 genes, complete cds

AATGGAAGGTTCTTCTCATGTCATTTTTAAATTTTTTCTACTTATTGTCTGCCAACTTTTCATTGTTCTCTGGG
ACTTGTTTGTCTATGAAAATAGAACTCCGTCATTCAGTGGTATTTTG

>trans_s_8693 AY058876|Arabidopsis thaliana AT5g26200/T19G15_50 mRNA, complete cds

CCAAGGGGAGTGAATTGCTCAATGAAGTTCAACCACTGAAAGAATTAGAAGTCATGGTAAAAGATTCTAGTG
AATCCATTCAACCTCCGAAGAATAAGGAGCAACCAAATGAAGTCCACATT

>trans_s_8694 XM_002330091|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca4
(Lhca4), mRNA

ACTTACCCGCCAAAATAGCATCAAACACTATGAGAATGCTTCTACCGGAAGTTTTACGAAGATTGGAATCATC
AACGCCCCCTCAATGGTACGACGCCGTCCCTTACTCACGTCCTATCTCGT

>trans_s_8695 AP009366|Aethionema cordifolium chloroplast DNA, complete sequence

TGGAGAAGAGGTCATCAATTGGGGGTTATCAGGACCAATGCTACGAGCTTCCGGAATACCATGGGATCTTCG
TAAAGTTGATCGTTATGAGTGTATGACGACGGGTCGGTTTCTGGACTTG

>trans_s_8696 Z21970|Arabidopsis thaliana mRNA for 54CP protein

AGGAATTTGTTCAAGGGAGATTGTTGGGGTTGGCTTCATGCCAAGACTGCTAACACTAGGAGAGATATGCGT
GGGGTTGTACGAGCTGAAATGTTCCGCCAGTTGACCCTGTTAAGTGACCAC

>trans_s_8697 XM_002502114|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5 U1 small nuclear
ribonucleoprotein (snRNP) mRNA, complete cds

CTGGAGTAGGTAAACAGTACTCAGGCGTTCGGGTCGACCACCACGGTAACCCTAGACGTTCTTGTGCGAGTG
CGGGTTTTTCTGCTTGTCCATGCAGATGTCCTTCCCGTCGAGGGCACGTT

>trans_s_8698 CP000590|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 10, complete sequence

CTCTGACAAGATTCTCAGAAAGTCCAACAATGAAATTCCATCAACTCCAAGCCTATCCAACAAGATTTAGTGGA
CATAATATCTAAGATTACTAATGGAAGTTTTCTATTATAAGAAGACAA

>trans_s_8699 AF314924|Phaseolus vulgaris NADH glutamate synthase precursor, mRNA, complete
cds; nuclear gene for chloroplast product

TGAAGCTGTCATGATGATGATCCCTGAAGCATGGCAAAATGACAAGAATATGGATCCTCAGAGGAAGGCATT
ATATGAGTACTTCTCATGTCTTATGGAACCGTGGGATGGACCGGCCCTTAT

>trans_s_8700 XM_002886820|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein S2, mRNA

GGTTTCATGGTACTAGGAAAATGGAATCCTAGAATGGCACCTTATATCTCTGCAAAACGTAAAGGTATTCATA
TTATAAATCTTACTCAAACCTGCTCGTTTCCCGAGTCCCTAGGTGTCCCCG

>trans_s_8701 XM_002963177|Selaginella moellendorffii ATP-binding cassette transporter,
subfamily C, member 21, cluster Ib, SmABCC21 (SmABCC21), mRNA

GCTCTTCGGCTTGTACGATCGTCACTGGAAGTCATGGTGAACCTGGGGATAGAGGAATTAATCTCACTCCCT
CTCCTGGAAGAAGACTTAGCCTTGCTGCGTTTCTCAGGGAAGACTATGGG

>trans_s_8702 NM_001057036|Oryza sativa Japonica Group Os03g0565500 (Os03g0565500)
mRNA, complete cds

GGGTTCCAACGTGAGTACTTCCAGGAGTCAGCAGTCACTTTCTCACCATTGGAACCATGAAAATAGTAGGCTT
GCCTGTGTACAAGGTCAACAAGACCCTTAAATTCCTCTTCCAAGCCGATT

>trans_s_8703 AF055356|Arabidopsis thaliana respiratory burst oxidase protein E (RbohE) gene,
complete cds

AGGAGTTTTTCTTCCCTGGACCAAACCAACAAGAACATGAATGGGCATCAGCATGAACTGAAGATGTACTTAA
AGAGAACCCACCAAAGACATGTGGACATAGAAATGTAAAGAAGGTATGT

>trans_s_8704 NM_102728|Arabidopsis thaliana glycyl-tRNA synthetase / glycine--tRNA ligase
(AT1G29880) mRNA, complete cds

CACAATTTCCACGTCTCTTTTCAATGGATTCTTCCGAAGCATCGCTCAGAAATGCCCTTCTCAGAAGCTATCG
GCTGTTGAAGCTCAAGGCAATGCTGTTGAGCCTCTAAGGCTGCCCCC

>trans_s_8705 DQ812086|Cucumis sativus NO3-stress-induced mitogen activated protein kinase
mRNA, complete cds

CAACAATACTTAGACGAAGAACAGATGAAGGAGATGATTTACAGAGAGGCATTGGCACTCAATCCAGAATTT
GCATGACCATAAAAGCATTTCGTGCTCGAAGACAGACTCCTTTAAGCGCGTA

>trans_s_8706 Novel Gene

GGTCCCGTAGCTCAGTTTTCTTTATTTTTTTTTTATTTCTTTATTTTAAATATTAAGTCTATGCTATTATTAACTT
TTCTTTTGATAAATATTTTCAGGCGCCCCGCCCCGGGCCCGCCAGGG

>trans_s_8707 AF049706|Glycine max aspartokinase-homoserine dehydrogenase (AK-HSDH)
mRNA, complete cds

AGTACGGTAGGGGCAGAGGGTATGATAAATTTGCAGGTGAAATAACTTTATGTGCCTGCCGTGAGTTCAAAC
CCTAGTATTAGGTTATAAAGATTCACACCCATGGAGGTCCTTCTTCCAGAG

>trans_s_8708 Novel Gene

AGATATTGGAGAGAATGAGAACGAGAGGGAGATTTCGATGAAGACGACGATGACGATGACAATCCCGACGGC
GAGTCGAGTTTTGAGAGAGGTGGACTCAGTTCCAATCGGTACCCAATCGGTG

>trans_s_8709 AY103778|Zea mays PCO063180 mRNA sequence

TGGTGGTGTAGCTGTTATACAGGTGGGAGCACAACTGAGACAGAACTCAAGGAAAAGAACTGAGAGTTG
AAGATGCTCTTAATGCTACAAAGGCAGCCGTTGAGGAAGGTATTGTTGTTGG

>trans_s_8710 FJ790129|Gossypium hirsutum GID1-5 mRNA, complete cds

GTCGGGGTTTGTGACGTTATGGTTCTGTTAGATACGGCTGCCTGTAGATAGTGTCAACTCTATTAAGTGTCA
GAACTCACGAATTCATTATCTCGTCCATGACGGTATAGAAGTGCTCAG

>trans_s_8711 AY104468|Zea mays PCO120622 mRNA sequence

AAATTACGTATTTTTTTCGCGCCCCGCGTCCAAGTCCATCATCTCCATCCCCCAGGCCGCGTAGGATCCCT
GTCTTCGTGGCCGTCCGCCTACCAAAGTGGCGGTTGCAAGGACCTCC

>trans_s_8712 AJ579711|Beta vulgaris mRNA for chloroplast chlorophyll a/b binding protein (cab11 gene)

GAGAGCGAAGCTAAAGAGAAGGAACTAGCCAATGGGAGACTTGCGATGTTGGCGTTTTTGGGGTTCATAGT
GCAACACAATGTGACAGTACCCAAATTGCCACACCGAGGGGTACCACACGA

>trans_s_8713 EF543155|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D alpha (PLDa2) mRNA, complete cds

CCGGACCGGGGGGGTGTTTTTTACCCCACCATCGATAGACCTGAAAATTGAACATTCCAATATCAAAGTC
GTCCGGGAAGGTGACAGGTGATGGAGTGATGAAGATCTGATCTAAATCCC

>trans_s_8714 EU580727|Citrullus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA, complete cds

CTTTCACATTAGCCACTCCATGGTTTAGAAGAAACAACTCAAAGTACCCAAACCTTTAAAGAACTCACCGGC
TTTAATGCCTTTTGGTACTCCCACCATCTCTTCGTCGCCAAAGGTTTCC

>trans_s_8715 AY491537|Nicotiana tabacum voucher Et4-8 ERT8 mRNA, complete sequence

AGGGAGGAATATGAGAGGCCGAGTTATGGGGATGAGGAGCCGAGGAGGCCGAGCTATGGGCGATCGGAG
GAAGAGGATTACCGGAAGCCAAGCTACTCTCTCGCGCTACTCTCGTCTCCTAGC

>trans_s_8716 GQ988381|Pistacia chinensis photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB) gene, partial cds; chloroplast

CTATTTTATAGGAGTGAATGTATACATACTTGTTTCATCATTCAAAAACCTATTCGGGAAGAAGTTTCCCTTATTA
ATTCTGTTTTCTTTTTATGGGTCCGCCGGGCTCGCACGCGGGCGCG

>trans_s_8717 GU561857|Scutellaria baicalensis DEAD box ATP-dependent RNA helicase mRNA, complete cds

GAGTGGTGGTTGCTTATGGAGGTGCACCAATCAACCTACAGCTACGTGATCTAGAAAGAGGTGTTGATATTCT
TGTTGCGACTCCAGGAAGATTAGTAGATTTTGAAAGTTTTTCAGGGACTTG

>trans_s_8718 AB252057|Brassica napus gene for 16S rRNA, partial sequence

CGATCGTAGTCCGGATTGGAGTCTGCAACTCGACTCCATGAAGTCGGAATCGCTAGTAATCGTAGATCAGAAT
GCTACGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGACACACCGCCCGTCACACTAT

>trans_s_8719 XM_002881127|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-containing protein, mRNA

CCCTGCCAACGGGCGCGCTTTTTCTTCAAGTACAACCAATTGAGCCCCTCGTTTCTGACCAAAATGCCACAGC
ATATCTGTCAAAGCATTGTAGAAAGCAGATGCAGTGGAAGAGTCCATCT

>trans_s_8720 AY494981|Triticum turgidum A genome HMW glutenin A gene locus, sequence

CTGGAGAGCAAACTGTTAAAGGGAAGTATTTGTCCTTTGCCAGCGATCGGAGCTAGAGAGCCATCGGCTATT
CGGATTTTTTCATTACCGGCACACGGGGCATATGAGATAAAGTGTCTG

>trans_s_8721 XM_002885598|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family
protein, mRNA

TTCCGGTCGAACCTGCAAAGCTCCAATCAAACACAACCACTCTATACACCTCACTCAGCTTTGGTACTATTTTGT
CCCACAATGACTGGTTGCCTCCGAACCCATGACCCAGAACCATCGCT

>trans_s_8722 NM_001061052|Oryza sativa Japonica Group Os05g0125000 (Os05g0125000)
mRNA, complete cds

CTGAACGCCTCTAAGTCAAACCCCATCTGAAGGAAAGTATGCATGCTCAAACAGGGATGAGACTGAAGGCTG
TAGAACTTTGGGTGGTGATTGGAGAAAGGGCCGTTACTGGAAGTGT

>trans_s_8723 XM_001697772|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TGAGTGAGTATAACAACCTTAACCGCACAAGCCTGGGCTTGGCCTACCTCCATTCTAGAGGAGCCGTCGTC
TTATTCCTAGAACATGCATTGGGGTCCTAATCTAAGGAGGAGCAACAAA

>trans_s_8724 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

GTGGGGATGGCTATATTTCTGGGAGCGAACTCCAGGCGAATATGAAGCGCATGGATACATCAATACGGAACC
TTACTTTCTGTATTCCGAGCCGATCCCACTCGTCTTGTTCCTTCGATATT

>trans_s_8725 NM_001069223|Oryza sativa Japonica Group Os09g0253000 (Os09g0253000)
mRNA, complete cds

CAGTCCCATGCCACCAGTCTTTTTCTCATTTCTGGCCCCGCTAAAGATTACTGTGAATCCCTCGGCGGATGCTG
GATCATTGACATCCCATTCACCGAACTTTGGCAATGGACTGCTACTGC

>trans_s_8726 XM_002892303|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 4-hydroxyphenylpyruvate
dioxygenase, mRNA

AATACAGACGTATTTGGAGCACAACGAAGGAGCAGGAGTTCAGCACTTGGCATTGATGAGTGAGGATATTTT
CAGAACCTTGAGGGAGATGAGGAAACGAAGTAGCGTCCCACCTAAACTCA

>trans_s_8727 Z33468|A.dentata gene for 18S rRNA (partial)

AAACGGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCATTAAATGGGAGAAGAGTAGCCTCAATAAAGTGTTT
CTGAACGGTACCATTCTTCTTCCCCCCCCACCTACACAGGTTCTCTATA

>trans_s_8728 NM_001068223|Oryza sativa Japonica Group Os08g0379000 (Os08g0379000)
mRNA, complete cds

CGGAAACTCTGGGAGGGGATTGGCCATGGATGTCTTGAGTGAGCAAACAACGATTGATGAAAGTGATACTCT
GAACCTGTTGAGTTTTTGGCTCTACAGTTCCTGGTTGGTGACACAGGG

>trans_s_8729 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

CAACACCATTGCAACCTCCCGTATTATCATGGAATTTGTACATTCCTCTCCTTAAGGTTCTTGAATATCTTCCAC
GAGGTAGCCCGTCTGAAGCATGTCTTATGAAGTTTCATATTTTATTC

>trans_s_8730 XM_002947042|Volvox carteri f. nagariensis component of oligomeric golgi complex
2 (cog2), mRNA

AGCAATGTGTTTCCAGGCGATCAGAACTTATAGTTGACTTTCTTTGTTGTGATTGGTACATTTCTGAATAACGT
GCGGCACCGGTGCGTTGGACGGCAACTCCGAGTTTCTGCGCCCCTGT

>trans_s_8731 XM_003081764|Ostreococcus tauri RNA pseudouridylylate synthases (ISS)
(Ot11g00100) mRNA, complete cds

TGCGAAGGACTCTCAAATCCGGAGGAGTAGAATGAACTAAAGAGGACGCGCGAAGCGAAGCGACTGTGAA
GGAGCGAAGCAGAATCAAGCGTAGAAGGACAGGAGCGAAGCAGAATCAAGC

>trans_s_8732 XM_002877881|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata fus3-complementing gene 1 (AFC1),
mRNA

AAGTACCACGACTGAACATCAAGATCACAGCTATATTGTTTCAACACGTCATTATAGGGCACCTGAAGTTATCC
TGGGTCTAGGTTGGAATTATCCTTGTGACCTATGGAGTGTCGGATGCA

>trans_s_8733 XM_002303981|Populus trichocarpa 10-formyltetrahydrofolate synthetase
(FTHFS2), mRNA

TAAGCATTAAAGACAAAATAGAAGCCATAGCCAAGTCCTATGGAGCTAGTGGGGTGAATATTCAGAACAGG
CTGAGAAACAGATTGAGATGTACAGCAGGCAAGGTCCCTCGAAAGATGGT

>trans_s_8734 BT015788|Arabidopsis thaliana At5g64970 mRNA, complete cds

GAAGGGCTGATTGATGAATTGACTCGGATTGTAATGTCAATGCTTCTTTCTTCAAAGATTTGACTCTTTATCTG
AAACTCGAGAGGCGCGAAGCGAAGCGAGAACCTACTAAACGCTTTCCC

>trans_s_8735 M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
1-2

CAAACGGAAGGTCGGCTAATATATAGGATGAAAGTAGGGAAATCCAAGTATATATATACAAGGTCAGACCCCT
CTATGTAGTTGTGCGAGATAGGGCGATCGATCTACATCTTTGTCCATAGCC

>trans_s_8736 NM_120602|Arabidopsis thaliana ABC1 family protein (AT5G05200) mRNA,
complete cds

AGGAGATATTTGGAAGACATGGGACTCACGAGGCAGGCTACAGCTCCGAAGGTATATCACCACTGCAGTACT
AGACGAGTGTTAACTATGCAAAGGCTATATGGTGTTCTCTCACGGACCT

>trans_s_8737 AC092750|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare from
chromosome 10, complete sequence

TCATCGACCCGGTAGGACCTGAACTTGGTCTCTGGAGCGGGCACTTCATTTAGTAGCGTGATGCCAGGTTGG
TTATGGGAGAGAATCAATAGATTCTTTTCGGGAGCGATTATCCTTCC

>trans_s_8738 AJ864705|Vitis vinifera mRNA for alpha-1,6-xylosyltransferase (x34.1 gene)

GTTGATCGTTACGAGGAGATGATTGAGAATCACCATCCAGGTCTCGGTGATCATCGGTGGCCTCTTGTCACCC
ATTCGTCGGGTGTAAACCTTGTGGGAAGCCTAAGAGCGCAAACGGCTT

>trans_s_8739 XM_002865111|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA recognition motif-containing protein, mRNA

TCATGCATACGTTGTTTTTAAACGGAGGAATCAGCACAGGCTTCTTTGTCCATAACATGGCTGTGTTTGAG
GAAATCATATACGAGTCGATAGAGCATGCCCACCGCACTACACCTTGC

>trans_s_8740 XM_001702485|Chlamydomonas reinhardtii ABC1-like protein
(CHLREDRAFT_111503) mRNA, partial cds

AGCTGGGTAGGATGCAAGCCGATCTTAATCCAACATCATGAGAGACAACTGTTCTGCCACAAGTCTGGA
GCATGAAACGCAGCCAGTTTTTGGCATGATCCAGGAGGGGACACAGCAC

>trans_s_8741 BT010331|Arabidopsis thaliana At3g62310 mRNA, complete cds

ACAGGAACCTGAAAGGGACTATCTTGAAGCTGCTATCCGGACTGTTGTACAGATTCATTTGTGTGAACCTCT
GGTGATATACTTGTGGGAAGACAGTTGTCTTCTTCCGGTCCTCGTACG

>trans_s_8742 X57163|T.aestivum nad4 mRNA for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

ATTGACTGCGAGGTGTTGGCACATAGAAAAAGGGCTGAAGAAACCAGTCCATGACTTAACATCAGTAAAATG
CTACCTCCAATTCCCTGTATGTTTCAGACTAAACATACCAATAGTCACCAG

>trans_s_8743 Novel Gene

CTGACTATAGACAGAGGGGTTCTCAAGGGTAAAGCAGCAGAGTTTACTCAGGATAGGCTTTCTTTGAAGAAT
GTAGATGTAGAAAAGATGGAACCTCAGTCAAAGATTCCACTAATATGTTCG

>trans_s_8744 AF410312|Arabidopsis thaliana At1g27100/T7N9_16 mRNA, complete cds

AATCCGTCGTTACAGGACCGGAATGGATCATCCAAGAACGTTAGGTGGGCGGTGAGTTCGTTTCCTTCTCTGA
TGCTATTATCCGCTGAAAGATCACCGCAAAGGACGTCCTTGTTATGAA

>trans_s_8745 XM_002320035|Populus trichocarpa cytochrome P450, mRNA

AAAATCCCTAAGAATCTTCGTCGAGAATTCATAGCTAGCCAATTTCTCTGCTCCTTCCACTTTTCTCCATCCACC
GCAAATATTCCTTCTCCGAACAAATCCCCACACACTTCTTGATCCT

>trans_s_8746 AY489023|Capsicum annuum ribosomal protein L19 mRNA, complete sequence

TGAAGTGTATGCTTCTCTCATCCAGAGGATCTTCGTGGGCAATCTAGCTTCTCTGGTACCACGACGCTTACCGT
ATCCAGAGTGACGTCCCTCCTCTTAGCCTCCTTCATACGTCGAGCAC

>trans_s_8747 AY365248|Cucumis sativus 60S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

TTCCAGACAAAAAAGGGCTCAGAACTACAACTGGAAACCGTGTTTTTGGTGCTCTGAAGGGAGCTTTGGATG
GTGGATTGGACATTCCTCACAGCGACTAGAGACCCAGACCACGCACTGGA

>trans_s_8748 NM_127746|Arabidopsis thaliana CESA9 (CELLULOSE SYNTHASE A9); cellulose
synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CESA9) mRNA, complete cds

AGCTCATTTCTTCAACATCACAACTCCATTTTGGCCAAGGAAGACCTGAATCATGCCAGGGTGGTCTCGAAC
ATTGTTCCCAGGCCACGGAGTACCATCTTGCATTGTCCAGCCATCCTC

>trans_s_8749 NM_001053633|Oryza sativa Japonica Group Os02g0550900 (Os02g0550900)
mRNA, complete cds

CGATAATCGACGATTACCCTCGGAGGATTACTCGAACGCTTTCCGAGACGGATCTTCAGGACCTGTCTATGGC
TAAGATGAAACCTTTTAGCAGGACGCTCGACAAACCCCTGTGGGCAAAA

>trans_s_8750 NM_001050340|Oryza sativa Japonica Group Os01g0666900 (Os01g0666900)
mRNA, complete cds

TACAGACGAGTAGGATTCACCCTGAGCCAGAAACACAACCTGGTATTGGTGGAACCTGAAAGTAACCATGGA
TGCTGCTCCGTCTGGTGCTTTCTCGGAGATGAGGGTTTCTGCGGCTAAGA

>trans_s_8751 GQ259740|Chrysanthemum x morifolium FLO/LFY-like protein gene, complete cds

AGTTCACTGTGATATTAGAGCTTCACGCTGAGAAGTTTGTCTCGTGAGGTTTAAAAACAGTGGTATATCATAAT
CTCGAAGTACCTTGGGAAAATAATACTCTACTAGTGAACCTACTTCT

>trans_s_8752 Novel Gene

AACGCTGGTCAAAGAATGCCCCGGTCAACTGAAGCCAGTGATGTTTGTAGCAGAGAAAAGTCAAATGTTTTG
GTTGGATCATCTTCACTCTTTGGCTCTAGGCCTCACACTTCAGATCAGTC

>trans_s_8753 AY059846|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g42090; MJC20.20) mRNA,
complete cds

AAGGCAAAAACGCTCGACGTGATTATCTATCTGCTGGGAAAACCATCCTCCGAGGATTTACTTCGTTTTCTCT
TTGATTTATTTCTCGCTTGCTGTTGTTTGGATTCATGTTCTTTCACCC

>trans_s_8754 NM_001125380|Arabidopsis thaliana peptidase M16 family protein / insulinase
family protein (AT3G57470) mRNA, complete cds

TGGGTTTACCTTATCGGTATCAGGATCACTGACGAGTAGAACTTCAAGGGAGTTCTTGGAGACGATTCTTCTG
TACTCTCTTTTGTCAATTACGAGGCTTCACAATCTCATGAGTCACCTGTT

>trans_s_8755 AB294693|Hevea brasiliensis HbMVK mRNA for mevalonate kinase, complete cds,
note: HbEST_No.06169

ATAGGTTTACAAGTACTTAGATTTGTGCCTGTTGAGGTGGCCATCACTTCTGAGCTTCCTCTTGGATCTGGCT
TGGGATCATCAGCAGCGTTTTGCGTTGCCCTATCAGCTGCTCTGCTTG

>trans_s_8756 Novel Gene

AAAGGGAGACGACTTCGGCTATGGAAGGGAAGTTAGGCTGAAGAGAAAGACAGAGAATTACCCGCGTTTG
GAGTCATAAACATAAGTACGTACACCGGAGGAAGACGTCACCTTCGTCTCA

>trans_s_8757 X07375|Soybean mitDNA for elongator tRNA-Met and tRNA-Glu

TGGTCCGGAAGCTCCCCAGCAAGCAAGACGAGATCACCACCTTTCTCAGTAATGGACTTCCTTTCATTCTTCC
TTACTTAGCCTGAGATCTCCTTTCATAGATTGAAGAACCTCCAAATCT

>trans_s_8758 AY939869|Malus x domestica plastid alpha-amylase (AMY10) mRNA, complete cds;
nuclear gene for plastid product

AGGAAATGCAAGGATATGCTTACCTCCTGACTCATCCTGGGACACCATCAGTATTCTATGACCACATTTTCTCC
CACTACAAATCTGAAATTGCAGCACTTATTTCTCTCAGAAAACTCCCG

>trans_s_8759 EF375892|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA3) mRNA, complete
cds

ATTCTGGTGTCTAGGAGCCAAGCACTAATCTTTGTGACAAGGTCACGCAGCTGGTCATACATGGAACGTCCA
GGACTTCTCCTAGTGGGTGCATTCAATAGCTCAGCTGGTGGCAACCG

>trans_s_8760 NM_122230|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing
protein (AT5G23240) mRNA, complete cds

ATGGTGCCGATGAATTGAAGGAACACGCTGCAGGTTCTATGGCTCTGGAGTTGGTTAATAGTCACTGGATGC
AGGTGATCCTAACAGGCGTCACTTGGTATATCATTTTCCGTTCACTGGTA

>trans_s_8761 AY494981|Triticum turgidum A genome HMW glutenin A gene locus, sequence

TTTTCTTCCCTTTTATTCCCTCGTAAACCCGTCAAAGACCAAGGGCTTCTCTGCTTCAAACTCTCCAAAGT
AGGGCGCCTCAATCGGAAACCAGATTTAGTGGTCGCCGCGCGAGTG

>trans_s_8762 EF373047|Nicotiana tabacum subtilisin-like protease (SBT1.1B) mRNA, complete cds

AAGACAATGTTAATGTGATGTCCATGTCGCTTGGGGGTGGAGTATCCGATTATTACAAAGATAGTGTGGCCAC
CGGAGCCTTCGCCGCCATGGAGAAAGGCATCCTCGAAGAGGCCTCTGCA

>trans_s_8763 AB331309|Nelumbo nucifera chloroplast rpl2, trnH, psbA genes, partial cds and
complete sequence

GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGATTGTGAATCCACCATGCGCGGGTTCAATTCCCGTCGTTC
GCCCCATATTCCAATTATACAGTGATTCTCCGTGTGAGAGTACTCCCACT

>trans_s_8764 BT029188|Arabidopsis thaliana At5g57010 mRNA, complete cds

ACCCGCGATTGTACCCTCACAATTCTCACTTATTTTTTACATTACACAGATCGATCCACGTCATCGATATGGCCA
CAACTTGCACTTGACTACGACGTTTGTGGGTGTCTGTCTCTATTAG

>trans_s_8765 CP000590|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 10, complete sequence

TGGGAAATTCATACCTGTCCCTGAAACTCCGTTCCATGTGTTGATTATTAGAATGTTCCGTAAACGACAACCCG
CGCAACCGTAAATGTCCTGGACTCGGTCCTTTTTTCTTTTTCAGAT

>trans_s_8766 XM_002329156|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb5
(Lhcb5), mRNA

AAACGAGAGGGTTTTACTTCCAAGCATATGTGACAGGAGAAGGGCCAGTGGAGAATTTGGCAAAGCATTGAGTGATCCTTTTGGAAACAATTTGCTCACTCAGTAAAGTCCCTTACGAAGG

>trans_s_8767 EU717230|Cologania lemmonii isolate 11 caseinolytic ATP-dependent protease (clpP) gene, partial sequence; chloroplast

CATGTTTCCTCTAAAAATTAGTAATTTCAAATACTATGATGGTTCCGTTGCTTTATGATTTGTTTGTATTTCAGCAATCCCGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCCAGAAGTCGGGGTTT

>trans_s_8768 Z84557|H.vulgare BARE-1 long terminal repeat DNA; ID E1321IR

AGAGAGAAAATGGCTTCTCGTTTCTGGACCCAGGGTGGTGGTAGTGGTTCTGATTCTGAAGCGGAGGAGAGTGACTATGGTGAAGAGCTTGATGACATTCAGGTTGATCCCAACGCCCAACC

>trans_s_8769 Novel Gene

ATTGATAGAAATCCTAAAATCTTCAGATCTGGGAACTTGTTAGAAGGGTTAGACTTTTTTGCATAGACTACAATTCCGTTTCTTAATCTTTTATGTATGTCTTTAAAGCAAATTGGCTATGG

>trans_s_8770 XM_002299411|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

TGAGCTCCTCGTTGGTGCTGGCTGCGTTTCCGACTTCGCCGAGTGCCGCACGGCTTGCACTAAAATCTCAGAGAAGTTTGGGAAGCATGGATTGGTCCCTCAGCCCAACCACACATATGTGA

>trans_s_8771 AL161562|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 62

ATAAACGAAAGAGATTTTCTTCTTATTCATATACAAAACCACTTGAAAATTCCTTGTTGGATCACCAAATACAAAGCTTTTTCACCAACGAAACAAGCAATTGATGATCATACTTCTGT

>trans_s_8772 DQ223268|Lycopersicon esculentum ethylene-overproducer1-like protein (EOL1) mRNA, complete cds

ATGCTATGCTTAATGGATGCTTCACTGAATCAAACCGTGAGGTAATTGATCTGTCTGAAAACAATCTTTCCCCATCAGGAATGAGGGCTATAAGGGAGTTCAGTAACACAGGGAACTTGGGT

>trans_s_8773 NM_001071771|Oryza sativa Japonica Group Os12g0102600 (Os12g0102600) mRNA, partial cds

CGGTAACGCCAGCGTCTTCAGGGAACACCTCGCCCCTCTACGATCTATACCCAGCGTTATCGCCCTACCCGAGGTTGGGGATGGGAAAGGTGTCGTTCAAATTCCTCTTTTGCACGTGACC

>trans_s_8774 AP009369|Arabis hirsuta chloroplast DNA, complete sequence

ACGCAATCGTAAATACTTTCAAATCCAATAAAGTCAGTAAAGTCTAGGTTTATGACACTTGCACTGACAGGGC GGTGCTCTGACCAATTGAACTACAATCCCCTGGAGGAGGACCCTCGTTT

>trans_s_8775 EU088417|Vitis vinifera oligouridylate binding protein-like protein-like mRNA, partial sequence

TCTTCCCTCTGACTACTTGTCATATGCCCAATTAACTTTTATAGGCTGTCCAAACAAGTTTCTTCCATTGAGAGAAATAATAGAACTGCAGCCGATCTGCGATCGAAGTAATCCACAAAACC

>trans_s_8776 AL161555|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 55

CCGCAGAGTGCGAGTGCGAAATCGCTGGAGTCGTCTAATTCAATGGCGGTGCGAAACGCACGGACCTTCGAG
GGAGTGCTATAAGCGAAATGCGAGTCTTTTGAATCAAAGTCTGTTCATG

>trans_s_8777 NM_001051434|Oryza sativa Japonica Group Os01g0865600 (Os01g0865600)
mRNA, complete cds

AAAGGAGTGATGGAGGCACGAGACAACAAGATATGGGCGCGATTTGCCGTTGAGGCTAACAGGGATGTAAC
TCGTATGGAAATATTCATGTCGCTTGTTACCTGTTGGAGCAGACGCTCTT

>trans_s_8778 NM_117511|Arabidopsis thaliana CKI1 (CASEIN KINASE I); kinase/ protein
serine/threonine kinase (CKI1) mRNA, complete cds

TTAAAGCGGCAACAATGGGCATGACACTTGCAATCTTTACAGGTTACCAATTTGACTACGTATTCGACTGGA
CTATATTGAAATATCCACAGATTGGCTCCAGTTCTAGGACACGACCAAC

>trans_s_8779 FJ425789|Lecanorchis nigricans voucher Yukawa s.n. (WIS) 26S ribosomal RNA gene,
partial sequence

GGTAGTGAGCTCGTCCAGCCACAAGGGTGTGGTGTCTGATGAGCGTGCAATTTAAACATACGGCCCGGCGGA
ATACCTATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGGA

>trans_s_8780 GQ998127|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 RNA polymerase beta'
subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CAGAATGAGAACTGTCATCCATTCAATCGAATTGGGATGCCCCGGATCTGACATGTGGCTTGCTTGGTAGG
AGTAACATGAAGCTCAGAGACTTGGTGTGGTGAATACTCCCATCAACA

>trans_s_8781 AF234537|Pelargonium graveolens chloroplast translational elongation factor Tu
(tufA) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CGACTGATGTCACTGGCAAGGTGTCTTCGATTATGAACGACAAGGACGAGGAGTCGAAAATGGTTATGCCAG
GAGACCGAGTGAAAATGGTTGTGGAAGTATTATGCCTGTGGCTTGTA

>trans_s_8782 AF401727|Nicotiana tabacum genomic sequence and retrotransposon Tnt1 s131b
long terminal repeat, partial sequence

CTCCGGTAACAATCTCCGATCCGACATGGATTCTTCCGCAACGCCAAGACCGTCCGCCTCCGAGCCATCACG
ACAAGTACCTTGTTGCTGATGACGACCAGGACACCGTGTGTTGTTCTGT

>trans_s_8783 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

AAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTGTTC
GAGGAACCCTAGATGCTGTCGGAGATTCTTCGATGACACAAGGGCGTTCT

>trans_s_8784 XM_002328070|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ATTGGATTGCCTTCAATCTACTGGCAAATCGACCCCCCGTACCAGGCAACTCTTTCTTTATGGAGGTCCGGAT
ACTCAGAAGACTCTTTTCTCAATGTCCAATCAAAGGAGGAGATGTC

>trans_s_8785 FN563089|Prasinoderma coloniale plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 1413

GGGAAGATTTATAGGTAGAGGCGACAAACCTACCGAGCCTGGTGATAGCTGGTTGTCCAAGATAGAATCTTA
GTTCAACTTTAAATTTGCCACAGAACCTCTTTAGGGGAACATTTAAG

>trans_s_8786 XM_002304046|Populus trichocarpa heavy metal ATPase, mRNA

CAAAGATTTTCAAGAAACGGATGATCTGAAAGCTCAATCGGTCGTTTATGTAGGAATAGACAATATTCTTGCT
GGTTGTATTTATTATGAGGATGGCATCCCCCTCCTATAAGCAGGTGGGG

>trans_s_8787 NM_001111735|Zea mays SET domain protein SDG111 (LOC542102),
mRNA gb|AY187718.2| Zea mays SET domain protein SDG111 mRNA, complete cds

TTTCCCATCAATGTGGCTGAACTTGGGCTGAACATGGTGGTTGCTGCTGCTGTTGTTGTTGGCTGTTGCTGCTG
CTGCTATTGCATTTGAAGATGAGGTTGGCACCAATGGTGGCATCGCAT

>trans_s_8788 AY050441|Arabidopsis thaliana AT5g16110/T21H19_30 mRNA, complete sequence

CCCTTGGCTTCCTTCAGGCGTTCTTCTGTGGATCTGCCAGTTTCAAAGATGAATCATTTTATTGTTTCAGCAGAAC
ACCTTTATTTTCATGTGAAGAGACTAGGGGTTTTGTTCTCATCTCCAG

>trans_s_8789 CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCATGATTTTATTTGTGCGTACGATGGGGCTGCTTCCCTCATCCAGATTCCT
CTCCCTCTCCCTTCAACCGGTCTCGTCATAACAGTAGCGTCACGAA

>trans_s_8790 NM_001068821|Oryza sativa Japonica Group Os08g0524200 (Os08g0524200)
mRNA, complete cds

TTTTGAGGCCAAACAAGGATCATAAGTACAGAATTTATTGGAATATTTACCATCACTCCATAGGATACAGTGTG
ATCATTATGAGTATCATCAATGTGTTTGTTCCAAATGGGGCGAACTCA

>trans_s_8791 AJ246010|Capsicum annuum mRNA for partial glyceraldehyde-3-phosphate
dehydrogenase, subunit GapB

AGGAGTGTGTTGTGGATGGCCCAGGTGCAGGGAAACACATCCAAGCAGGTGCAAAGAAGGTTATCATCACTGC
TCCTGCAAAAGGTGCTGATTTCCAACATATGTTGTTGGGGTGAATGGGG

>trans_s_8792 AY239610|Synthetic construct 26S proteasome subunit RPN2A (RPN2A) gene,
partial cds

ATCAGGAGAAACATCAATACACTTGACCCTACAGTTCTTATACAGTCACAACAAATCAGATCTCCTCATTCTAA
AGACAATAAAGCAATCTGTAGAGAACTCTTTATCACAGACAGTATCGT

>trans_s_8793 DQ321490|Nicotiana benthamiana AGO4-1 mRNA, partial cds

ATTTTCTTTTCCCTGAACTAGAAATAGAAGTCAAGTAGAAGCTCCCTCATTATTCCATCATCTTCGGTTTCAGAAA
TACGCTTGACAAAGAATCAATCATCTCCACTTTTGGAGATTGGGTA

>trans_s_8794 Novel Gene

GAGCCGTTTCACATGAGAATCTTTGGATGGGAAAGACTTCTGATGGCCATGACCAGATGCAGAACACGATCTC
CCTGAGTTATCTGTATTGATAACCTTCCCAGATGAATCAGAAAGACCT

>trans_s_8795 AM748036|Arabidopsis thaliana genomic region affecting the accumulation of
flavonol 3-O-gentiobioside 7-O-rhamnoside, ecotype Landsberg erecta

AGGCCATATCTTCCCCGAAAATCAGATGAATATGGATTCAATTAAGGGTCCGTCCGTAGGTTATGAAATAACT
CGACTGATAAGGATCAAAGAATGATCTCAGAATTTTCAAGCTCATTCTC

>trans_s_8796 EF543155|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D alpha (PLDa2) mRNA,
complete cds

CGACTCGCCTGAAGAAGCAGCAAAAAGCTGGATTGGTAAGTGGAAAGGACAACACCATTGATCGAAGTATTCA
AGATGCTTACGCCGGCATCGCCGAGCTCTACCCTCATTTATATACATTG

>trans_s_8797 XM_002325215|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

ACCAGAAAAGAAGTCAGAGTTGTCTCCCATGATACACTCTTTACTTGTTGAAGGCATTGCTCTAAACTCAAATG
GCAGTGTGTATGTGCCTGAGAGTGGTGTCTCTCACCTCCACTGTCTCG

>trans_s_8798 Novel Gene

CGAAGCCGCCTTCAGTTCAATCACCAGTGAGAACCCCATCACCAGTGAGAGCACACAGGTGAAGCCTGTAAA
GCAGCCGAAGCCGAAGGCAAAGGATCCCAACAAAAGGGATATGAGTAAT

>trans_s_8799 EU930859|Juglans cinerea marker CAPS08 genomic sequence; plastid

TAATCTATAAACTTTCAAAGTTAAAGTTCCTTATAAGACCCAAAAGTCTAGTCTAGGGGAGTTGAAAGGCGGG
AATGGCCAAGATTCATCTCAGATACAGTACAAATAGAATCCTCGGAGAG

>trans_s_8800 AY062651|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

TCTCCGTTTTTCATCATTTCCATGGCGGTGATAAACTTCTGAAAGATGAAGCCAGCGAAGAGAAGGGAGAGC
GTGCTAGAATGGCATCATTCGTTGGCGCTATGGCAACCATCAGCCCAACC

>trans_s_8801 AB095909|Vicia faba Vfphot1a mRNA for phototropin, complete cds

AAGGAAGTTATTGGAAGAAATTGTCGATTTTTACAAGGTGCAGATACAGACCCAGAAGATGTGGCTAAGATC
AGAGAAGCTTTACAAGCTGGGACAAGTGCCTGTGGGAAAAACAAAGGGGG

>trans_s_8802 FJ664262|Annona cherimola disproportionating enzyme 2 (DPE2) mRNA, complete
cds

ACCAAGATATATTTCACTTTTCAAGATGGCATGTTGCGAGATCTTCTTGGCGTGGTTCTGGTGTGCAATCCCCA
TGTTCTCTGTTAGATCAGACGATGATCTTGGAGTTGGCGAGTTTCTTG

>trans_s_8803 CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

GACCCTGCTTGCTTTAATGCAGCATAAGGGCGCGGATAGCCGAGCGTTGCACGGGCTCGATGCGTACGGCGC
ATGAGTGGTGATACGGTAGTTTGGTGGTTACACGTTACACCTCAAATTTG

>trans_s_8804 FJ844367|Citrus trifoliata HOS1 (HOS1) mRNA, complete cds

TGGACTCATCATTTAGAAGTTCTCATTGAGGACCTGCATAATCTTCACGAGGGCATATTGAAG
ATCAAGCAGCATATGGAATAATATCGTGTTTTACGCCTAAAGGACATG

>trans_s_8805 EU912393|Brassica napus WRKY20-1 transcription factor (WRKY20-1) mRNA,
complete cds

AAAAGCCCCACCCAATTCTCCAACACACAGGCAAAAAGCTTCTTCATACCAAAGGGTGAATTGTAAC
GTGAAAGCAAGTCGATTTCGAGTCCTTGGCTCCTTGGAATGCTTCTT

>trans_s_8806 XM_002872379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata translocon outer membrane
complex 75-IV (ATTOC75-IV), mRNA

AGGCACGAAGACTAGTTCTTCTCAGCTGGAGAACTGCGTCAATGTAAGTTGGTGGCGGTTGAAGAACGGAT
AATTGCTGCCCCACCCAATGCCTTGGTCTACCTGAAATACATTCCTCTCT

>trans_s_8807 AB554222|Glycine max GmGlb mRNA for GIGANTEA, complete cds, cultivar:
Misuzudaizu

TCAGCAACAAGAGAGGAAACCTGTACGACCTTTGTCCCCTGGATTACTGATATATTGCTTGCCGCACCATTTGG
GCATCAGAAAGTGACTATTTCCGCTGGTGCAGTCCACATTACGGCGTTC

>trans_s_8808 GQ206259|Polygonella americana 18S ribosomal RNA, internal transcribed spacer 1,
5.8S ribosomal RNA, internal transcribed spacer 2, and 26S ribosomal RNA gene, region

GTAGGTGACTGGTCTGAGACTGACGTAGACAAGGGTCTAGGCTGACAGACCTTGTTCACTTTGATGGCGTT
CCTCGACCTGGGTCTTCATGCGGTACCCATTTACCATAGGGTTTTCTT

>trans_s_8809 HQ449718|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc_SSR_9 sequence

GATATCCCTCATGACCTCAAGCAAGAAATCAAACATACAATAACAAACAAGCTTCATCGCAATGCTGGTCCAG
AGGACTTAATTGCCACAGAAGCAATGCTTACAAGGATAACCAAAAACC

>trans_s_8810 BT003011|Arabidopsis thaliana At3g06670/T8E24.10 gene, complete cds

AACAGAATGTTGAGTCTCAACCTGCTCTATCTAATGGTGTTACTACAAATCGCCCATCAGTAAGTCTTAGGTCA
GGTGGTCTAGTTGATTATGATGATGACGAGGATGATGAAGACTACAG

>trans_s_8811 EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA,
complete cds

AAGATCATGTCAATTTTCGCAGCAGGGACCTAGAGTTGTATGCATCTTGTCAGCAAATGGTGCTGTTTCCACTGT
TACTCTTCGTCAGCCTTCGACTTCAGGAGGCACGGTTACATACGAGG

>trans_s_8812 GQ141514|Solanum tuberosum cultivar Bora Valley chloroplast manganese
stabilizing protein-II (Msp-II) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GGAGGTGTCGCGTGTCCATTCTCTTACCATCAAACAATTGGTGGCTTCTGGAAAACCAGAGAGCTTTGGA
GGAGACTTTTTAGTCCCATCTTACCGTGGCTCGAGAAAGAACCTGGGT

>trans_s_8813 XM_002324614|Populus trichocarpa equilibrative nucleoside transporter, mRNA

ACGTCGACTGCAGAAACCTGTATTACCTGCATCAGAGGCAGAGTTGTCTGCCATTGTAATGGTTGTGTTCTG
GGCATTGGGTTGGTCGGTGGCTCCGTTCTAGGCTGGTTTTGGATCCTT

>trans_s_8814 AF355764|Rhizophora mangle 23S ribosomal RNA gene, complete sequence;
chloroplast gene for chloroplast product

AGAATCCACCTTCCGCTCTCCTTAAAAAGGAATTTTTTAAAAAGCCCATCAGTGAGATACCACTCTGGAAGAG
CTAGAATTCTAACCTTGTGTCAGGACCTGTAAATTGGAAAGTGACTC

>trans_s_8815 AY968568|Coccinia sessilifolia tRNA-Leu (trnL) gene, partial sequence; plastid

GTATCCCGCTAAAAAATTATAGAAATATAAAAAATAGAGATTGAGTTGTCATTAATCAATATAGTATTTCACT
ACGTAATACGTTTATCTTTCATCGTTTCTGGAGTTTCGATTCTTGA

>trans_s_8816 NM_001050933|Oryza sativa Japonica Group Os01g0773100 (Os01g0773100)
mRNA, complete cds

TCTTAGCCTGCAATGGCCGACTCACCGTGTTTCATCAAGCTTGTGAGCTTTTAGCAACAAACAACACTACAAGACAA
GGCATCTTGCAAAGATTTTAACCCACATGCGTACCACGAATGCCTCA

>trans_s_8817 GU250878|Triticum aestivum glucan water dikinase mRNA, complete cds

AAAAGTACTTTAGGGTAGATAAAATTCAGCGCAAGACGAGGGACTTGGTGCAACTTGTAATCAATATAAATC
TCAACCTATAGAGGAAACATATACAGCCAAACCAAAAGCCTTGACAGA

>trans_s_8818 EU016861|Cycas micronesica NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 2 (ndhB)
gene, partial cds; chloroplast

TTATAGTACGATTCTCGCTAGCTTCGGGAACTCCTCCTCGTAACGGATGGGTGCTCTCCCGCCCCCTTCCGCGC
GAAAATTCGAGTGGCTAAAGCTAAAGCAGCTACTTAAGTCGGGGTTT

>trans_s_8819 EU401726|Capsicum annuum chloroplast ferredoxin mRNA, complete cds; nuclear
gene for chloroplast product

CCACCTCCTTCCTCCGTCGGAATCCTACCGGTGGAGTGAGCCTCAAGCCATTTCCCAACATGGGTGAGTCTCTG
TTCGGGCTGAAACACCGCGGCGGACGAGTGACCCGCTACCGTACATC

>trans_s_8820 NM_001124071|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT1G63770)
mRNA, complete cds

AGCCTTTCTTCGTTTGACCAAAACATCTTCATCCATTTTCATAGCTGCCTTCAAGGAATACATGGCATGCTCAG
TCTTGGGGAAGTCTTCGGCTGGAGTCCATATCTTCAAGGAGACTTT

>trans_s_8821 XM_002865361|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata indoleacetic acid-induced protein 4
(ATAUX2-11), mRNA

CGAGAGGGAAGGTTATAAGGGATCTGATTTTGCTCCAACCTTATGAAGATAAAGATGGTGATTGGATGCTTGT
GGGTGATGTTCCATGGCAAATGTTTATTTTCATCTTGTAAGAGGATGTCT

>trans_s_8822 Novel Gene

AAAACTGCTATAGCTATCGATACCATATTAACCAAAAGCAAATGAACGAAAGGGCCACCTCTGGGAGTGG
GAGTGAAACATTGTATTGTGTCTACGTAGCGATTGGACAGAAACGGTCA

>trans_s_8823 Novel Gene

AAATTTATTCTTTCGTTTCTACTTATTTTGCAATTCCTATTTGGAAAGAAATCGAAAAAGGAATATAAGTCAG
TAACTTATTCGTAACCTTATCACTATTAGGTTCCCAAGAATGAGTC

>trans_s_8824 NM_001058592|Oryza sativa Japonica Group Os04g0118400 (Os04g0118400)
mRNA, complete cds

CAGAGGAGTTTGGTTGGGACAAAGATCTTGCTAAGAAGATTTGGTGCTTTGGTCCTGAGACTACTGGCCCTAA
CATGGTGGTCAGTATGTGTAAGGGAGTTGTTATGATGACGACCATTGG

>trans_s_8825 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

TGGCGTTATGGGAAAATATGCAGTTAGAGAACTAAAGCCACCTACAACCTGCTACATCTCGTGGGTCTGGAAAA
CATCCGCAGTCCACGTTGCTGGTCTTGAGCAAATCACCATCGGCAAC

>trans_s_8826 NM_112363|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein
(AT3G15010) mRNA, complete cds

AGTGGGCATTATAGCATGTCATCAGCATCCGGGCACCCAAATCAGCACCATCAACCGGCAGGAACATCACCAG
CGCCTGCACAAGGTGGACCTCCCTCACGCTTTGGACACGGCGGTGCGCC

>trans_s_8827 XM_002867907|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 3
(ERD3), mRNA

GAACGTGGAATTCCAGCAATTCTTGGTATCATTTCCACCCAACGCCTTCCTTCCCATCAAGCTCCTTTGATATG
GCTCACTGCTCAAGATGCCTTATCCCATGGACAGAATTTGGTGGAA

>trans_s_8828 AY080588|Arabidopsis thaliana At5g25270 mRNA sequence

TTCAACGTGGTAGGCAGACAAGAGCTGATCATCCTTGAGAACTTTTCCTCGACATATAAGACGTTGTTGTTCTG
ATAACACACCAGTTACAGAAGCAATTTGTTCTTTCAAAGCAGGGACT

>trans_s_8829 DQ863288|Solanum sp. VFNT truncated NBS-LRR resistance protein-like protein (Mi-
1.6) gene, complete cds

ACTTGGTGTTTCATGTAGCTGCATATGACGAAAAGCTGAATGGTAAAATTGCTAATGTACCGAATGACTCTCCC
CAAGAAATCAAAGTAACAGTCGAGCAAGAGTATTAATGAGTATAGGGA

>trans_s_8830 Novel Gene

AGAGAGAGAGAAAAACGAAGGAGGCGGAGACGGAGACGGAAACAGAGTGACTTTGGAGATCATGGCTCAG
CCTTCAAACGGTGCCGATCTCAATCCCCAGGCTCCTCATCCTCACCACCAA

>trans_s_8831 AC092750|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare from
chromosome 10, complete sequence

CAAGAATGAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCCGACCCTATTGTTCTACGTGTTGGGCCGGATCGCACCTT
ATCCTCCAAGGCAACTTTAGGTACGTAATATCCGAAGAGGTCCCTCT

>trans_s_8832 X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

AATGGGAAGCAAAAACGGGAGGGTACCGCATTGGGCAGAAGACGATCCAAAAGCGAAGGCTCACCTTC
AAAGATCAAAGGAGTCAGAAAGAAGAAAGGGATCCGTACAGTTCACCTTT

>trans_s_8833 AB112529|Humulus japonicus chloroplast DNA, downstream region of trnC,
Japanese wild

GGACATTAGTAGTACTTCTAGAGTCCACTTCTCCCCATACTACGAGGGAAAGAGAAAATGTAAAGACTACCG
CCGGAGCAGCCCAAGCGAGACTTACCATATCCATGTGAATTATGTCCC

>trans_s_8834 XM_002892543|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata P-glycoprotein 10 (PGP10), mRNA

TGGGCAACGACAAAGGATCGCCATTGCAAGAGCAGTCTGAAGAACCCTGAAATACTATTACTCGACGAAGC
AACAAGTGCTCTGGATGTGAATCGGAACGTGTGGTTCAACAAGCCTTA

>trans_s_8835 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
3-5

ATTGCGCCTAAAATCTCTATTTTTGCTAATATTTTACGTCTTTTTATTTATGGTTCCTATGGAGCTACATTGCAAG
AAATCTTCTTTTTCTGCAGCATTGAAGATACTAGAATCCTCGTG

>trans_s_8836 NM_001049949|Oryza sativa Japonica Group Os01g0582600 (Os01g0582600)
mRNA, complete cds

GACACAATGCTTCGTGTTGCGATGACGGTACGGCAGCGTGTGTCAGTCTGTATATGGCGATTGGCTACCGGA
GAGCCACTCCGATTAGTTTCGAAAAGATTTGGGGGCTTTCGGGACCAGG

>trans_s_8837 AF036386|Brassica rapa cytochrome c oxidase subunit II (cox2) gene, complete cds

GGTGACCCGTGTCGTAGTGCAAGTTGATGGGCCCCGTGAGCTCTTGTTTTGGTACAACGAGAAGGAGTTTACT
ATGGTCAGTGCAGTGAGATTTGACCTTCTAATGTACGAGGGCACGGAG

>trans_s_8838 DQ336287|Vitis pseudoreticulata pollen-specific protein mRNA, complete cds

AGGTTCGTCTATCGCAAAAAACGGGCATTACATAACGGTCGTTTGAGGCAATACCATTGTAACGGGTCAGG
ATCACACGGGCACGGTCACGGCCTTCTGCTACTGACGAACATTTCTCC

>trans_s_8839 XM_002878457|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mediator of aba-regulated
dormancy 1 (MARD1), mRNA

AGAAGAGGAGAGAAGATGAACAACAATGACTTTCTTAGATTTTGTTATACTTGCAAGAATGATCTTCAACTCA
CCAATGATATCTATATTTACAGAGGTGAGGTTCTAAAACAAGGTGAT

>trans_s_8840 XM_002871031|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin-dependent glutamate
synthase 1 (GLU1), mRNA

AAAAATGAGAATGCTTATGCAGTATATCAGCAGCATTTGGCTAATCGGCCAGTGAATGTTCTTCGTGATCTTCT
GGAGTTCAAAAGTGACCGTGCTCCACGAGGACACCCTGTCCACAAAC

>trans_s_8841 NM_001053421|Oryza sativa Japonica Group Os02g0494700 (Os02g0494700)
mRNA, complete cds

GGACGTTGAGTACTTTCCAGGTGCGAGACTTAACGCATCTGCATTGTGCGACATTGAAACCTCCCCTTTTCTTC
TCTTTGTTGCCTCAGTTACTTGCATGAGACCGAGGCAGAACTGGGAA

>trans_s_8842 NM_105601|Arabidopsis thaliana appr-1-p processing enzyme family protein
(AT1G69340) mRNA, complete cds

ATAGTTGATTCTAGTCTTGGCAATCTAGAAGGATTTTGAAGGGTAAGTTTCAAGGATCTGATTGCAGCATGGG
TTACATATGTGATTTCTGTGCGCACACCCCCAGCTAACACATAACGGC

>trans_s_8843 Novel Gene

CTTCTCAAATTCTTCTAGCTTTTTACCTTATCAATGAGGAAAGCCTATCCTCAGATTCTTCTAGTGGAATGAATG
AGTCCTATTCAATTCCTTGTTCAATTGAGGACTCCTGATTTGAGGGG

>trans_s_8844 NM_101877|Arabidopsis thaliana hydrogen ion transporting ATP synthase,
rotational mechanism / hydrolase, acting on acid anhydrides, catalyzing transmembrane >
(AT1G20260) mRNA, complete cds

CTGATGCCCTTCGTGAGGTGTCTGCTGCACGAGAGGAAGTGCCTGGAAGGCGTGGATACCCTGGTTATATGT
ATACTGATCTTGCTACAATCTATGAACGAGCTGGACGTAGTGAAGGACG

>trans_s_8845 NM_001063452|Oryza sativa Japonica Group Os06g0167000 (Os06g0167000)
mRNA, complete cds

GTGGAGATCACCTGCCCCACGGTTTTTCTCGGGTGAATTGTTTCTTCTGCACAGTTTCAATTTCCAAAGCATC
TAACTCCTGATCCAGAACCTGACAGAGATCCATGACAACACTCTCA

>trans_s_8846 EU016861|Cycas micronesica NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 2 (ndhB)
gene, partial cds; chloroplast

TTATAGTACGATTCTCGCTAGCTTCGGGAACTCCTCCTCGTAACGGATGGGTCGTCTCCCGCCCCCTTCGCGC
GAAAATTCGAGTGGCTAAAGCTAAAGCAGCTACTTAAGTCGGGGTTT

>trans_s_8847 NM_001058592|Oryza sativa Japonica Group Os04g0118400 (Os04g0118400)
mRNA, complete cds

CAGAGGAGTTTGGTTGGGACAAAGATCTTGCTAAGAAGATTTGGTGCTTTGGTCCTGAGACTACTGGCCCTAA
CATGGTGGTCAGTATGTGTAAGGGAGTTGTTATGATGACGACCATTGG

>trans_s_8848 Novel Gene

TAACTTAAGTGGGAGAGCCGTGTTATGGGTGACCTTATTGCACGGTTCAGAGAGCACTTGTGTATGTGATGCA
AGTGAACGTGTACGAAAAAGCTGTAGGAAAGTGAGAAGAAGCAAGGCA

>trans_s_8849 XM_002871060|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CYP77A9, mRNA

TTAATGCAACTTCATTTTCTTACCTCGATACTCTTTGATCTCAAAGTCGACGGCCGGAAATCTACTCCAACCG
ACGCCGATAATCAGTGACTCTGTTCCGAATTCCAGCTTCACTGGGG

>trans_s_8850 NM_122480|Arabidopsis thaliana transcription factor (AT5G25790) mRNA,
complete cds

CCAGGATCTCTGCGGCGGCAGATTTTCAAGAGAGCGGGCTCGAGAGTTACAATGAAGATGATCAGATTACAGAA
GAGAATTTGAAAGAACCCGGTTGAAACAGAACAAATCCAAGAAGGCAGA

>trans_s_8851 DQ521448|Hydrangea macrophylla microsatellite STAB285_286 sequence

ATAGCGATTATTCGGACTCGCCGTCTAATAGCCCCCTAGTCTTGGCAGTAGTATATTGGGTGGAAATGATTC
GGGTCTCATTTTACTGGGAGTAGCAGTAGTCTGCTCTGCCACGAACT

>trans_s_8852 AF059289|Eleusine indica beta-tubulin 3 (TUB3) mRNA, complete cds

AGAAGTCCACGAGAAGTCCGATCGTGATCTGGCAACCGTCCCTGGTCGTAACGGGTCAGACCCTTGGGTGGG
ATGTCGCACACACTAGACTTCACGTTGTTGGGTATCCATTCAACAAAGT

>trans_s_8853 XM_002326701|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,
ABC transporter family, mRNA

AATGGAAATGGAGAAACCAAGGCATGTTTCAGCAAAAAGACTCTACTCCATGGTTGGACCGGATTGGATGTA
TGGCATTGTGCGCGTCATTGGAGCATTTGTTACGTTGCGCCAGATGTTT

>trans_s_8854 AB037113|Cucumis sativus hemH mRNA for ferrochelatase, complete cds

TTTGCTGATGCCGTAATTGAGAGTCTTCCGTATGTGGGGGCGATGGCTATATCAAATCTTGAAGCTCGGCAG
CCTCTGGTTCCACTTGGTAGCGTGGAAGAGTTATTAGCAGCATATGAT

>trans_s_8855 AF274001|Triticum aestivum oxidase (IM1) mRNA, partial cds

AGGTACCGTAGATAAGGAGTCGTCTCTGATGTTAACAAACACGTCGTACAAGCTTTCTATCTTTGGTCTTCGTG
ATTTGGGAGGCCTCGATGTTTGAAATTCATCAAATAAGTACAAGTCT

>trans_s_8856 NM_105651|Arabidopsis thaliana AMY3 (ALPHA-AMYLASE-LIKE 3); alpha-amylase
(AMY3) mRNA, complete cds

TGTGTCACCAGAGGGGTACATGCCGAAGGACCTGTATAATTTAAATTCCAGATATGGTAACATTGATGAGCTG
AAGGATGTTGTGAAGACGTTCCATGATGTCGGGATAAAGGTTCTTGGT

>trans_s_8857 XM_002873919|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2734, mRNA

GGATGCATTGAATGAGTGTGTACAGATCTCTGGACCACTTCTTGATGAAAGCCAAGTACGGTGCATTGTGGAT
GAGATTAAACATGTTATAACTGCTAGCTCCTGTCTCCCTACGTCCCTC

>trans_s_8858 GQ435708|Chaenomeles speciosa voucher PS1101MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial
cds; chloroplast

ACGCAGGTGCACGCGACGGCCAACCGTCTCGGTTCTCTATTTCCAGCCGCTGTTTTCGGTCGTACGGGACTGG
CCCCCAAGTCCGTAGCAAAACCTTGTGTAAAAATAGTACTTGGCGCG

>trans_s_8859 Novel Gene

AAAGCTCCATTTGTCTAGAGGATATTGACAGGAAGACTCCTATTGTTGATCATGTCGGAAGTGCACCACCAGA
ACAAGGTCAATTTTATAATATATCAGGTAGCCTTCAGGAGTCATACAA

>trans_s_8860 EU002495 | *Datisca cannabina* RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

GTCGTGTATTAGCGGACGATATATATATGGGCCCCGCGATGCATTGGTGTTCGAAATCAAGATATTGGTATTGG
ACTTATTAATCGATTCATAACCTTTCAAACCCAACCAATATCTATTCTG

>trans_s_8861 NM_001125641 | *Arabidopsis thaliana* protein binding / zinc ion binding
(AT4G34100) mRNA, complete cds

CAAGAAAATGGGAATGGAGAGCCTGGGTTGCAAGAAGAACTGCAGGTGGTACATCTAGGTGGACAGGATCA
GGCTTTGGTGGCTCAACGACGTCGATTGCTGGGTTTTGGGTTCCCATAC

>trans_s_8862 AB080750 | *Crucihimalaya himalaica* ChiA gene for acidic endochitinase, partial cds,
strain:JOS18

CCAGGAAAAGCTCGAACGACCTTCACACTTTCCTGCAAGTGCAAATCTTGGTTGGAGTTACGATCGTCCTCCAT
ACTATCCCGTATCGCAGGTTGTGTCCGGTACTTGTCCCGCGAACAGT

>trans_s_8863 DQ337188 | *Populus euphratica* calcineurin B-like protein (CBL4) mRNA, complete
cds

ACGATCACGACTTCAGGTATCGTCGACTTGTGAATGGAAGACGAAGCTTGGGAAAGTTGTGGTGATGTCCTT
GAGATATTGAAGGGTCATGTTCTTTAGAAGCTCTGGATGCCGCATAAGT

>trans_s_8864 XM_002303398 | *Populus trichocarpa* jumonji domain protein (JM1906), mRNA

TCTCTATCTTTTGCAAATAGACCAAAGGATCCTCAAATTCCTCTTTGACGGAGAATACACGGGGCATTCTGGA
ATCTTCTCAGTCCACTCTAAATCATCATATTCAAACCTTGCTACTCT

>trans_s_8865 AF393847 | *Solanum tuberosum* beta-amylase PCT-BMYI mRNA, complete cds;
nuclear gene for chloroplast product

AAGGAGGGAACCGTCCGAACCACGTCCTCGAACTGCCACAGCAATCGGACTCCGGAAGTCTCCGGTTTCGAC
CGCCTTCTGACATGCTCTTTACGAACTCGACCAAGTTTCTCCAATTGTT

>trans_s_8866 NM_001049671 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0502700 (Os01g0502700)
mRNA, complete cds

AGAGACAACAAGAAGAACAGAATAATTCCTAGACATGTATTGTTGGCCATAAGGAATGATGAAGAACTTGGG
AAATTGCTTGCTGGTGTAACAATTGTGTGTGGTGGTGTCTTCCAAACA

>trans_s_8867 XM_002316146 | *Populus trichocarpa* amino acid transporter, mRNA

TGGTCTTCTCTTACCTGGCTGCAATAGCATTCCCAAATATATGGTATATCTTTCAATTCATGGGCTCAACTTCAG
CTGCTTGCCTCGCGAAATAGAAAGAATTGATTGCTGCTCTCAGGAG

>trans_s_8868 U43507|Ogura radish nad3/rps12 locus, complete cds, and fMet-tRNA

TGAGGTTTTGGTCATTTTTGCACATATTTTAGTGATCAGCTTGCTAGTTTTCTTTATTCCACTTGGGGTTCCTTT
TCATTTGCACTTGGTGTTCCCTTCCAACAACCATGTTGTGACCAG

>trans_s_8869 NM_001049877|Oryza sativa Japonica Group Os01g0559300 (Os01g0559300)
mRNA, complete cds

TCCCCCCTTTCTCAGATAATTGATATTAACACAAGATGAATCGAAGAAACAGTGGAGGAGGAGGTGCA
GCAACGCCAAAGCTTGAGCTGAAATTGAACTTATCGCCGCCGAGAGCAA

>trans_s_8870 XM_002312916|Populus trichocarpa aquaporin, MIP family, PIP subfamily, mRNA

TTCTCTCTTTGCACGCACATATCCCAACTCCTTCACACACCTCTCTTCATGGAATCTGCTTCCTTTGATCCAAC
CCCACAAGGGTTCAATGATAAAGAGTCAATGGTTGTGGGAAAGAA

>trans_s_8871 GQ435708|Chaenomeles speciosa voucher PS1101MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial
cds; chloroplast

ACGCAGGTGCACGCGACGGCCAACCGTCTCGGTTCTCTATTTCCAGCCGCTGTTTTCGGTCGTACGGGACTGG
CCCCCAAGTCCGTAGCAAAACCTTGTTGTAATAAGTACTTGGCGCG

>trans_s_8872 XM_001698155|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGCTCAATCCAGGTATTCTTTGGTCTTCCGTGCCGTCCATCTTTCTGGATGATGAAGCCTGCCAAGATTTCTGAT
AGTTGGTGGATCGGGAATCTAAGCCAGCGAAGAAAAGGCCTACGAA

>trans_s_8873 AY727966|Heliamphora minor 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAGAGTCAAGCTCAACAGGGTCTTCTTTCCCGCTGATGAGATCAAGAAAACAGCAGTAGCAGCTGCAACAG
GAGCTGAATATGCAACAGCAATCCAAGGACGCATACCCAGACGGAACT

>trans_s_8874 HM104185|Ananas comosus glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase (GAPDH)
mRNA, partial cds

TACGACAGTGTTTCATGGCCAATGGAAGCATCAAGACGTGAAGGTTAAGGACTCTAAGACTCTTCTTTGGTG
AGCAGGCTGTTACAGTTTTTGGTATCAGGAATCCAGAGGAGATCCCAT

>trans_s_8875 EU342377|Withania somnifera SGLT6-like mRNA, partial sequence

TCGACGGCCCGATCTACGGCGTAACTCATTTGGACGACGATCGAGACTCGCGGTAAGTAACTCAGTGCCTCA
GTTCTCCTTCAGTTACGATTTGCAAGATCCAAGTCGGCAGGGACGGT

>trans_s_8876 XM_003080177|Ostreococcus tauri COG0438: Glycosyltransferase (ISS)
(Ot07g01190) mRNA, partial cds

TTTTTCAAACTTAGACTTTGACGATAACACAGCTATCTATGGCTGCTCAGCTCCGAGCCACGTGTTAGGCAGA
ACCCACGCCTATCGGCGCACGCATGCCACGTGCGAGTCTTCCCGA

>trans_s_8877 XM_001696899|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGAATCTGAGGCCAGGCAGCCATCATGCTTGGATTCTCCCAACCCCAAGATCAATATGAAACATTCAAACCTCA
ACCATTGGCAAATATGCCAACCAACCACCAAGCGCTGCATACAGCACA

>trans_s_8878 NM_001067197|Oryza sativa Japonica Group Os07g0682700 (Os07g0682700)
mRNA, complete cds

AATAGAGTGATTGGGTGCGAACCTTCAATTTAGAACTGAGACTCAGGAAAGTCCTCGGGCCATCGCCGTAGA
AATACGGACTCGGTAACGAGATCGGTTCGATGAGCCTATTGGGTGCAAT

>trans_s_8879 GQ998344|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 RNA polymerase beta
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

AATGCCATTTTGGAGTTTTATCAACAATTTCTTGTGTAGGCGGAGATCCGGTATTTTCTGAATCCTTATGTAAG
GAATTACAAAAGAAATTCTTCAACAAAGATGTGAATTAGGAAGAA

>trans_s_8880 NM_179879|Arabidopsis thaliana splicing factor family protein (AT2G33440) mRNA,
complete cds

GGGTCACCAACTCCCGGACTAAGACTCCAGAAAGGCACAAGGTTGATTAAGATCATCGTTCATCTCAAAGTGA
TAGGCCTTCAATCGTCCAAATGCAGTAACAATATCCCTAAGCATTTTCG

>trans_s_8881 AJ225048|Lycopersicon peruvianum mRNA for Hsp20.0 protein

TGAAACTTATGCTGTATGTTGCGATTGGTTGTTTCTTAGAGCGGTATCCACCACCCTCATATCTAATTTGCTGAC
CTAGTTGAGAATTATTTGATTATTTTTCTTGTCTTTTGAGTGGATC

>trans_s_8882 EU669439|Vitis hybrid cultivar Regent VRP1-1, VRP1-2, and VRP1-3 genes, complete
cds

GAAAGAGTTTACCTTCCATGTGGAGCGGGATAGAGATGTTGCGTATGTAAAAGAGAAGATTGCTACGAAGGT
AAAGGATTTTGTGGACGTTGTTGATGAGCATGAAGTAGTGTGTGACAAG

>trans_s_8883 NM_180079|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7C) (AT2G44120)
mRNA, complete cds

CAGACAACTCAATCGTCGAACAGGCCCTAGGTAAACATGGAATTTTGAAGCGTTGAAGATCTTATTCACGAGAT
CATGACGGTTGGACCTACCCCGTTCTCCGTTTGTGACCTGTTTAA

>trans_s_8884 XM_002515518|Ricinus communis palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase,
mRNA

GCGTTGATCACAGATACAGCAGTAAGAGATTGAAGCACACTGTCCCTCTTGTGCTCCCTCCTGTATTCTAAAGT
CATAGTAGAGAGTTCATGACTCTCCAGGATTGGTAATGGCGCACTCT

>trans_s_8885 NM_101712|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L6 (RPL6A) (AT1G18540)
mRNA, complete cds

AGAGCACACACCAGGGAAACGTCAATGGCGCCCAAAACACCGCGAGTTACCAGAAACCCGGATCTCATCCGA
GGAGTCGGCAAGTACTCGAGGTCTAAGATGTATCACAAGCGTGGTCTCC

>trans_s_8886 L41592|Caryota mitis chloroplast 23S-5S internal transcribed spacer in inverted repeat (contains 4.5S rRNA)

AAAGGGGAGAAGCCGGAAGTTTCAGTTGGCTACTAGCCAATATGCTTTTCTCATGCCTTTCTTCGTTTCATGG
TTCGATATTCTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACCAACCAAGCCATA

>trans_s_8887 NM_001067266|Oryza sativa Japonica Group Os07g0693600 (Os07g0693600)
mRNA, complete cds

AACTCCTTCTCATGAAGCTTCTCCATAGTATCAGGGTGAAGCGCAACCACCGAGTTATCATCATTAAATGGCCTC
ATCGACAACAAGCCGGTTGGCAGCTTTCTTGCGTTCTAGAATCGCGG

>trans_s_8888 NM_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,
complete cds

GTAGACAGACGTGACTGTACCGAAGATCACTTTGTGGGATCAATATGTGACCCATGGATAACATGCCAAGACC
TCCAATTTCTTGGGAGTATAGAAAATAACTGGAGGAAACCTGCTGGG

>trans_s_8889 L11529|Daucus carota aspartokinase-homoserine dehydrogenase mRNA, partial cds

ACAGAGAATGGCTAGTACTCTGGAGTTAGTGCCACCCTTTTCAATGCACTGGCAAAGGCTAACATAAATATC
CGTGCTATTGCCAAGGCTGCACTGAATACAACATTACGGATCAACAA

>trans_s_8890 X99825|P.crispum mRNA for leucine aminopeptidase

AAAAGTACATGGGAGGTTTCAGCAGCAGTTCTTGGTGCAGCTAAAGCCATTGGCCAAATCAAGCCTCTCGGA
GTGGAGATTCACTTTGTTATTGCTGCCTGTGAGAATATGATAAGTGGAA

>trans_s_8891 AY207370|Rheum palmatum 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 2, complete sequence;
and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGTGGCATGCCCCCGGAATACCAGGGGGCGCAATGTGCGTTCTCTCGGATGTGATTCACTGAATTCTGCAA
TTCACATTACTTATCGCATTCGCTGCGTTCTTCATCGATGCCAGAAC

>trans_s_8892 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

GAGTGAGAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCTACCGGTATATCACGTGGGCACATGAGGCATCG
ACGTTGTTTTTAAACCGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGG

>trans_s_8893 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

TTTGGTAAACGGAGCTAGAGTTCAAGTGGCATCTACATCCGAGGATCTCAATCGTTTTGGAGCCAATTCCACGG
AAGATGCTCTATCCAGCATGCTGTGACGCATGCCCCCAATGGAAGC

>trans_s_8894 XM_002302133|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

AGGGTGGCGGTGGGAAAGGTGACGATGAGCTCGATGATACAGATTTGCCTATGATGGATGAAGGGAGACAA
CCTCTCCAGAAAAGTGCCTATCCCCAATGTGATTCTGCCAGTGCT

>trans_s_8895 AF525762|Fagus sylvatica chloroplast OA region, partial sequence

AGACGAAAAAATGGAAAAAAGAAAGCATTCCCTTCTATATCTTTACGAGCGCTGCGGGGTAAAGTT
GTTTCGAGAGAGGGACGGGCGCGGGGATTCGAGGCTCCAAACCGTCGG

>trans_s_8896 XM_002882989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

AGAAGAGTATCGTAGGATGAGGTTAGCCTATGATGAAGCAGCGTTGGAATATGAAGTACTTTTCGCATCCTGTT
TATGGTAATCATTAAATGGTCTACACTATAACAACGAATGGTTACGAGT

>trans_s_8897 XM_002894487|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-protein ligase 1 (UPL1),
mRNA

CAAGGAGCAGGGCAGAAGAAGCACTTAGGCAAGTTGGATCTAACAGTGTGGAATTGGCTATGGAGTGGTTA
TTCTCACATCCAGAAGAAGTCCCTCTCCTACTGCTCGAACGTGAATGAG

>trans_s_8898 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

CTAGCAGTTATGAGGTCCCATCCATGAGCTCACTTGAACCTCAGTATCTTGTCGATGGGCTAACCGATGATGCT
CGTGTAGATTATCAGAACCTTTCGGCTGCAGCTGCGCGTTTGTGAC

>trans_s_8899 XM_002874944|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATSTE24, mRNA

TCCCAAACTTTGGAAGGAGTTATAAGCCAAGAGAAATTCGAAAAATCCCGGGCTTACAGTCTTGATAAGAGC
CACTTCCATTTTGTACACGAGTTTGTAACTATAGTGATGGATTCTGC

>trans_s_8900 M37269|Wheat Nor-D3 locus ribosomal RNA gene

GAGAGAGGAGTTATGCCCTGCTAAGGTCCGGGGCCGAAGCCTATTCGTATCCTCGTACGACGTGCTGGAGAA
AATCGCCCCGTTCTGGCATGGATTCTAACTTAGAGGCGTTCAGCTATT

>trans_s_8901 NM_129529|Arabidopsis thaliana RHC2A; protein binding / zinc ion binding (RHC2A)
mRNA, complete cds

ACTCCGATTGCATAATCCCTTGGCTTTCCATGAGAAATTCCTGTCCGGTCTGCCGGCACGAACCTACCCTCGGAG
CGTGTATCTCCGGCTGGTGGGGTTTCAGATCGGACCACACTACTTC

>trans_s_8902 DQ286960|Aquilegia formosa histone H3 (H3) mRNA, partial cds

AGGCCCTGTCCCTTTGGGAGTTTGGACTCTTCGAGGATACCAATCTTTGTGCCATTCATGCCAAGAGGGTCACC
ATTATGCCTAAGGATATTCAGCTCGCTCTCGAGGCTGAAAATCTCT

>trans_s_8903 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GAATTAGGCTCCCCTCCATGATTTCTTACTGTGTGGTTGATTTGAAACGGGAGAGAGAGAGAGGTCAAACGAAG
AAAGGCTTACGGTGGATACCTAGGCACCCAGAGACGAGGAAGGGCGTA

>trans_s_8904 FJ529172|Brassica napus cellulose synthase 3.1 catalytic subunit (CesA3.1) mRNA,
complete cds

GATCGACGAGTGGTGGAGAAACGAACAATTTTGGGTCATTGGAGGTGTTTCAGCTCACCTGTTTGCTGTTTTC
CAAGGTCTGCTTAAGGTTCTTGCCGGTATTGACACCAACTTTACTGT

>trans_s_8905 AY103299|Arabidopsis thaliana AT3g27090/MOJ10_18 mRNA, complete cds

GACTTGCCTTCGAATACTCAGGAACTCTGCAGGGCACTAGAAGAAGATTCTTCCGGCCAGTCTTGACCCAC
TACGACGGTCCAAAATCCGTCTTGAACATCAATCCCTGAGACATT

>trans_s_8906 NM_104409|Arabidopsis thaliana AGP21 (AGP21) mRNA, complete cds

CGCCATTGTTGTGATCTGAGAAGCTCCAGCTCCAAGCCAGCTTCTGATGCCTCTCTTTCTATTCCAAGTGGCC
GTTAGGAGGGGTGGAAGAGGAGGGGGTTCGGTTTTTTTTCCTTTA

>trans_s_8907 AY007366|Lycopersicon esculentum tospovirus resistance protein A (Sw5-a) and
tospovirus resistance protein B (Sw5-b) genes, complete cds

AATGTCTATGGAGTTTGTACCTCGATGAAATCCTTTTTACATTTGACCCTTTAGTACTAAGTTTAACATGCGACT
GTTCTTATGTGTTTGTGTATAGTGGGAGGTGATATTCAATTCAC

>trans_s_8908 GQ889271|Oryza sativa Japonica Group PRX53 gene, complete cds

TCTTCATGCCTCTCGTATGAATCAAGCAAACGCACATCCTCAAGATCATCGGGGATTTTCATCAGCCGCAGAAAT
ATCCGGTAGGCGACGGTCTGCGGCGGCGACATGGGCAAGCTGGAGG

>trans_s_8909 NM_001125718|Arabidopsis thaliana BIM1; DNA binding / protein binding /
transcription factor (BIM1) mRNA, complete cds

TGCATTGATTATAATTGAGGATGGAGCTTCCTCAACCTCCTCGTCCTTGGAAACCGAAGGACGGAAACCAAC
GCATGACTTTCTATCACTCTATAGTCGTGCCGGCCGGGGTCATTGAC

>trans_s_8910 AY291118|Prunus dulcis cultivar Nonpareil RNase (S) gene, S7 allele, complete cds

AACGAGGTTGTAACAGAACTAGAACAGCTACAAGATCCGACATCCATTAATATCAACAGAAATTCAAAACAAA
ACCGCATGGCTCGCAGACGTAGTGCTGTGCTACGGTTATAAGTATAC

>trans_s_8911 XM_001696382|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTAGAATATGCTCTGAACTTCTTTCTGTAGACTGAAGAGAAGAGAAAGGAGGCATTTCGTGCATAGGAAGAA
GGCCACCGAGCTTTGCCGTGCCCTTCAATTCTATATGCGGACTGTC

>trans_s_8912 NM_112204|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7D) (AT3G13580)
mRNA, complete cds

GTTCTTTCACACTCTTGAGATTGGGATAACCATAAGTCACGTAAGGCTCAACCCTGTGAAGCATATTCAGTGTT
GCTTTGTTGACTTTCAGAAATACACCATTGAATATCTGTCTCAATC

>trans_s_8913 Novel Gene

AACTCTCTTAGCTGCTTTCAGAAGTGCTGCCAAAGCAGCAGAATCAAATAACTCCTTTCATCACCTTCATCA
TCCGTATCTGCTTCATCCGAATCTGTGACATAGACCGGTAGATGG

>trans_s_8914 EU583458|Populus trichocarpa histidine kinase 3A (HK3A) mRNA, complete cds

AGTGGTGTGGCGTATGCAGTAAGGGTGCTTCATTCTGACAGAGAACATTTTGAGAAGCAACAAGGCTGGACG
ATCGGGGAAGCAAGTGGGGCTAGGTGGGACTTTCAAGTACTTCTACTG

>trans_s_8915 HM046669|Brachythecium uncinifolium isolate I514 18S ribosomal RNA gene,
partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed
spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CTCCAAGCGGGCTTGTCGTGAAGATACGAGATGTCTTGCGATTGCTTTGTGCTCGGTGGACGGGTTTCGTCG
GAGTGCCACGTCCGACCGTTGGGCGGGGAGTGAGAGCGGGTGTCGAG

>trans_s_8916 EU305679|Mimulus aurantiacus pop-variant ELT dihydroflavonol-4-reductase (dfr)
gene, complete cds

GAAGAATTTAGTATTTCAGAGATTTTCAAGGATTCTTTTCTCGCTGCGGGCCAAATCCCATGCCGTATACAGAG
AAAACTCTGGCAATTAGGTGGTTTTTAGGAGGAGAAGCGGGTTTGG

>trans_s_8917 GQ998710|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 ribosomal protein S16
(rps16) gene, complete cds; chloroplast

AGAGGTTAGAGACCGCTCATAGGGCGAAATGCTTAAGCTTAAGGGTTTTTTTCTTTGCGTGAGAGTTATCCA
ACTTGAGTTATGGGGATAAGAATGAGTTTTTTTTTCAAAGAAAAAA

>trans_s_8918 NM_001066927|Oryza sativa Japonica Group Os07g0636100 (Os07g0636100)
mRNA, complete cds

CTCAAGAGAACAGTGCTGGAGGAAGAGTGGAAGAAATTGCATCTTGCAAGAACTCGAGCTTTTTCTGAAGAGG
ACGGAGTTGATTAGGGATCAAACAAAGTTGATGTCTACACGCATGTTT

>trans_s_8919 AJ458943|Lupinus luteus mRNA for acid phosphatase (acPase1 gene)

TGGGATACATGGGGTCGATTTGCAGAGCAAAGTACAGCATATCAACCTTGGATTTGGTCAGCAGGAAATCAT
GAAATAGAGTACATGCCTTACATGGGTGAAGTTGGGTCCCTGGACTT

>trans_s_8920 DQ906926|Populus alba x Populus tremula sulfate transporter (PtaSultr3;3b) mRNA,
partial cds

TTCCCTCCCCCTATCAGCGCTCGAGATTCGACTTCTCGATCACGGATCCCTTACTTTAGTTGGGGATGTACTG
CAAAAAAGGACTCAATTATGTAATGATAAACTACAACATCATCCG

>trans_s_8921 NM_001085289|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L31 (RPL31C)
(AT5G56710) mRNA, complete cds

AGAGATAAGGAAGTTTGCCGAGAAAGCAATGGGAACAAAGGATGTCAGAGTGGATACCACTACTTTTAACGT
ATAAAATGAATAAGGCACTTGCCTTATAAAATGTCATTTTCTCCCC

>trans_s_8922 XM_002324035|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

TTTGTCACGAAATGGGGCTCAAACCGCTTCCGCCGTGCAACAACAAAGTAGAAAGCTTCAAAAACGTTGCTC
TGAGCGCATGTATTTGTTCTTCGTAGAAAGTCACCCACCCGTAGTA

>trans_s_8923 X74734|Arabidopsis thaliana gene for elongation factor 1 beta

AGCGAATATGTTAACGTATCTAGATGGTTTAATCATATCGAAGCACTCGTGAGAGCCTCTGCTAGTTTTGTCTC
TTTGGACTTATGGCCTGGATCCCTGAAAGCAATCGCCACCCACAAG

>trans_s_8924 AC068654|Genomic Sequence For Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar
Nipponbare Clone OSJNBa0015O22 From Chromosome 10, complete sequence

TCTTCTAGATTTTCTTCTACCCCTTGTGTTCTGTTCTTCTTCCAAAAGCCATTCTTATATTCCCAAGCTCGAGCCCTT
TAGCCGTTCTAAGCTTGATCGCGCCGCTGGGAGGTTATTCTCT

>trans_s_8925 AY640053|Corydalis saxicola 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGATGAGCGGCGCCAATGCTGCCGAGATCTCGATTATGCACGTTGTTTGGGGCTGAAGACCGGAATGACGTC
CGGCTATTATTGGGATGCGAAGCGTTTCGATCTTCTACACCGGCCCGG

>trans_s_8926 NM_104429|Arabidopsis thaliana emb1011 (embryo defective 1011) (emb1011)
mRNA, complete cds

CATTTCAAACCAACTGGAGGCAACAATGTTGGATCAGGGTTGCCAATGGACCCTAACTCTGGTATTTACCC
CTATGGTGGCAATGTAGGGGCTCACGAGTGTGGTGTGGTGTAACATA

>trans_s_8927 AY143843|Arabidopsis thaliana At1g14090/F7A19_17 mRNA, complete cds

GAAAACTACCATACCTAGTTCTACGACAATTCAGTACGACAATACAGAACATGATACAAAGTCCAACAATATTT
AGAAAATTACAAGTGACATACCAAATCCAAATTGTTGCTCGAGGC

>trans_s_8928 AY563141|Medicago sativa calcium/calmodulin-regulated receptor-like kinase
mRNA, complete cds

GTCCATCTTATCACTTAATTCGGTTAGTTGGTAAGTTTTGAGATATTCTGGGTCCAAGTACCCTGCAGTTCCTTT
GACTTGAGTGGATACATGGGTCGCATCACCATCAGCTGCAAGTCT

>trans_s_8929 GQ998385|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 cytochrome f protein
(petA) gene, complete cds; chloroplast

AGTTTGGTGGGAAAATACCATTCGCAAGAACTTGTTTCAGTTGCATATCATAAGGAATTCGAACAACCTGCTTCA
AATACAGTATCAGGAAGTACCGCTTGTGGAACCTCGATATCCACGG

>trans_s_8930 NM_001070156|Oryza sativa Japonica Group Os09g0508000 (Os09g0508000)
mRNA, complete cds

TGGATACAGAAGCACATCTGGAGAAATATCGATAAAATCAAGACAGTCAAACATTTGCATTTACAGCTTAAAC
CCGTTGAATTACAAGCCATCGACGAGAGATGATATCTTGTGTGGGAG

>trans_s_8931 NM_001189339|Oryza sativa Japonica Group Os10g0556801 (Os10g0556801)
mRNA, complete cds

AGAGAAATTGATGGCAATCCTGATTTTTTGAATAAGGATGTTGGAGCATCTCAGACACAGATGGTAGCTGAA
GTGAAATCTGGCTTAATGTCTTCTTTAAATCAAGTGGAGCTCCCGCTC

>trans_s_8932 NM_117759|Arabidopsis thaliana catalytic (AT4G16580) mRNA, complete cds

ATGGAGATTTCCTAGCTCTGGACAGGTTTTCTCAGTCCCTGTTGCTCCTGGAGATGTCATAATTGCTGGCACC
GATGGACTCTTTGATAACTTGTATTTACCCACTCGAACTTGAGATT

>trans_s_8933 NM_001063124|Oryza sativa Japonica Group Os06g0111800 (Os06g0111800)
mRNA, complete cds

GTTTAACAGCCAACCCGTTGGCCCCATTCACTCTTATCTTCATACCAACAAGAAATGACACTGATCGCCTCTGC
AACAGTTGATGCATCCAGTAGCTCACGAGGAATGGTAAGAGCACCG

>trans_s_8934 AB026500|Cucumis sativus mRNA for ethylene receptor CS-ETR2, complete cds

TTGTCAGGAAATGGGAATTGGAGATGCGTGTATTGTTGTTATAGTTGATGCCAAGTGCTACTCCGTTATCGGC
AAGTTGTTGGGGCTTGAATCTCTCGAATTTGGGCGTTAATGGATTG

>trans_s_8935 Novel Gene

AGCAACAAATCTAATATAATTAGTTTTATCTATAAAAGGAGATCATATGAATTTACATTGGCTAAGAAAGTAAA
GAAACCCAATGACCGGTAGGCGGCTCTCTTCGCTAAATTATGGCT

>trans_s_8936 CP000585|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 5, complete sequence

TGAGAAGAAGTCTTGCATCAAGTCTGAGGAGAATTTCTTGCTGTCAGGAATTCTGATACTGGTGTCAATTGGA
AGGGAACAGATGCTTAACCAAGATGTATCGTCATCAACACTTGTTTT

>trans_s_8937 M29334|L.gibba light-harvesting chlorophyll a/b protein gene, complete cds

TACAGGAAAGGGTCCTTTGGAAAATTGGCTGACCACCTTTCTGACCCAGTCAACAACAATGCTTGGGCCTAC
GCTACAAACTTTGTTCTGGAAGTGAGAAATACCATCTTTCTCTCT

>trans_s_8938 HM122462|Malus x domestica BZIP domain class transcription factor (BZIP1) mRNA,
complete cds

CGACCGAATCTCGACCTCGATTATTACTGGCCAGACTACATGGGTACGTATGAGAGTGATTGTTACTATCAGC
CTTATGGGGAGTTTGGCAGCGGAATTGGACGACACGCGGTGACCGGA

>trans_s_8939 AY295342|Cucumis sativus poly(A)-binding protein C-terminal interacting protein
243 mRNA, complete cds

AAAGAACTTCCTTCGTTGATCAGCTTGCATTTTCAGGTTTTTACCATGTTGATAAGCATAAGAAGCAAAATCTG
CAGCTATCTCACTCTAACGGCGTACCTTTTGCATGATGGGTCAGCG

>trans_s_8940 XM_002883032|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

CAGGCTGAGCTACTTCTTCGAGGCGATAGATTTAATACCATGTGGAGGTATCCATATAATATTCAAGGACA
GGTGTCTACTTCTAGTTCTATGTTCTATCTTATTACATATAAATCA

>trans_s_8941 AY104187|Zea mays PCO068792 mRNA sequence

TGAAACTAGCCTTGAGAATGAGCCTGGTGTTAGAATGGTGGCCTTGTTGACCATGAAGAAGTCGGATCTAAT
TCAGCCCAGGGAGCTGGTTCCCAGCAATGCTTAATGCTTTATCACG

>trans_s_8942 X86563|Zea mays complete chloroplast genome

ATTGTATGGTCCGGAATATGGGTATCCGATCCTATACCTAATTGGCCTTCCCATGTTCCGGCATTAGGACGCA
CCCCACAGCTTCCCAAAGTAGGAAAACAAGGCCCGCCTTATCGGAG

>trans_s_8943 AB197748|Oryza sativa Japonica Group transposon iDart4-1 DNA, complete
sequence, cultivar: Nipponbare

GGAGCGGGGGACCACCAGGTTGCCTAAGGAGGGGTGAACCGGCCAGGTCGGAAACGGAGCAGGTCAAAA
CTCCCGTGCTGATCAGATCACCTAGTATAAGTGTCCGCTACACTGGTGA

>trans_s_8944 NM_001068010|Oryza sativa Japonica Group Os08g0295300 (Os08g0295300)
mRNA, complete cds

CGCGATACTTTCTGGCATTCAAGCGCTCATATACTCGGTCAGTCGCTTGAGATGGAGTATGGTTGCAAGCTTT
GCATTGGACCCTGTACCACTAGAGGAGAGGGATTCTATTATGATGCT

>trans_s_8945 HM802936|Carica papaya cultivar Solo eukaryotic translation initiation factor 4G
(eIF4G) mRNA, complete cds

AGGAGATATGGCCAAGAAGTATTCTAGGGATTTCTCCTCAAGTTTGCCGAGCAGTTTCTGGACCTTCCTCATA
ACTTTGAAGTTACATCTGATATAGAGTCTAGCTATCTGACTCATAC

>trans_s_8946 FJ231523|Cucumis melo hexokinase 2 mRNA, complete cds

TTCCCACTTGTCGCCGAGTGTCCTGAGGCAATAGATGTTTGTCTAACTGGGAAAGAAAATGTAAACCCAG
CTCTCTTTGTCTACCAGATACCGGGTGGTAGCCATCACCTTCCTCTT

>trans_s_8947 GQ998541|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 photosystem II protein D1
(psbA) gene, complete cds; chloroplast

TAATGTACCATACACATCACATTTTACATTCTTTGAATGATGACTGCAGTTTCCAAGTTCTTAGGTTTTCGGGG
CATTGGAAGAAATGTAAAGAACGAGAGTTGTTGAACTAGCATAT

>trans_s_8948 NM_001050428|Oryza sativa Japonica Group Os01g0684900 (Os01g0684900)
mRNA, complete cds

CAATATCCTTATTTTGTGGGAACATGCTCGACGAGCCGCTGAGGATTCCCAGCACAGCTGTCATTGGAAACT
CTTGTGCTTCCTGCAGCACCAAGTCCATATGCTATTGAATAAAGGG

>trans_s_8949 DQ026521|Chara tomentosa voucher Blomster JB705 26S ribosomal RNA gene,
partial sequence

GGTTGCTAACTGAGGGATAAAAGGCGTTTGGGCGTGACGATCGATTGCACGTCAGAACCGCTGCGAGCCTC
CACCAGAGTTTCCTCTGGCTTACCCTATTCAGGCATAGTTCACCATC

>trans_s_8950 NM_001056905|Oryza sativa Japonica Group Os03g0417700 (Os03g0417700)
mRNA, complete cds

ATCCTAGTAAACGTTAAGAACGGTACATGCTTCTTTTGTGTTTAGGCCTTAAGTAAACCTGGGTGGCGCCTACA
TCATATAAACACGGTCACCAAGTTGTATGTCGCGCGGTGGGAAATT

>trans_s_8951 FJ142062|Pinus taeda isolate 7391 anonymous locus CL4479Contig1_03 genomic sequence

CTTTTCGTCAGATTCCCATCCCCGTCTCGATCGTGGTTCTTGAAAACGTTGGCCAGTTGCTCCTCTGAGAAAGG
AACTAGAACTCGTTTGTAAGTTTTGCTTTTGGAGTTCCCCATCAAA

>trans_s_8952 FJ006580|Triticum turgidum gamma-gliadin (qp113) gene, complete cds

GAATCAAAGGATCAAATTCTAGATATCGAACCACATCGCATCGAATCAACATAAATACAACATCAACACAAGT
TCAACTCCACGAATCAAATTTTTTTTGGAAATCTCATGTGAACACCG

>trans_s_8953 XM_002864795|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MA3 domain-containing protein, mRNA

TGCATATTGAGATATTTTCTACAGAGGATATAGTCAATGGTTTTGTGATGCTATTGGAGTCTGCAGAAGATACA
GCGCTAGACATCTTGATGCATCAAATGAGCTTGCTCTCTCCCTGG

>trans_s_8954 EU002550|Thymelaea sanamunda RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds; chloroplast

GGGTCTCAGTAGAAACAACCTTAAGAGATTTTCAAGATCAAGTGAAATTACGGATAATGGAAGGCCTACTGTT
TCGGTTAATGGCCAGCCTTTACCAGCTCATATACAATTTTCCAGTC

>trans_s_8955 NM_126132|Arabidopsis thaliana HOS15 (high expression of osmotically responsive genes 15) (HOS15) mRNA, complete cds

TTCTCTAAAGTGGAACAAGAAAGGTGATTATCTTCTCACTGGAAGCTGCGACAAAAGTCTATTGTTTGGGAT
GTGAAGGCAGAGGAATGGAAGCAACAGTTTGAATTCATTCAGGTCC

>trans_s_8956 NM_001073691|Oryza sativa Japonica Group Os12g0586600 (Os12g0586600) mRNA, complete cds

TACGAACTTCTTCTGGTGACATTGTTTCATCTTGCCATGGGTGACCAGGTACCAGCAGATGGACTTTTCGTTTC
GGGGTACTCTCTCTGATAAACGAATCCAGTTTAACCCCTATTCA

>trans_s_8957 AJ539054|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT4-M34-027

CGGATAACGTCACCAGTCTTCTCCTCCTCGAAGTCGATGGGTCTTCTTCTTCATCCTTTTCCGAATCTCTGCTTTG
AAACTCAACTGAACAATCAATATCCTCCACCACTAGAATCGAAC

>trans_s_8958 NM_123697|Arabidopsis thaliana COP1-interacting protein-related (AT5G43310) mRNA, complete cds

AGTCTCCCGAAAGCACTACCGAAGGTTCTAAAATCAATGGAGCAAGCAAGTCTCTGCTGGATGGTAACGAGG
AGAAAGCAATTGTTTTGTACAAGCCAGATGCAAACTCACACCTCCGGT

>trans_s_8959 NM_129424|Arabidopsis thaliana PECT1 (PHOSPHORYLETHANOLAMINE CYTIDYLYLTRANSFERASE 1); ethanolamine-phosphate cytidylyltransferase (PECT1) mRNA, complete cds

AGGTTATTCCAAACGCGCCCTATGCCATAACTGAAGATTTTATGAGAAAGCTATTTGATGAGTACAAGATAGA
TTATATCATTCATGGTGATGACCCCTTGTGTTCTACCTGACGGAACTG

>trans_s_8960 NM_001051738|Oryza sativa Japonica Group Os01g0917700 (Os01g0917700)
mRNA, complete cds

TGTTGAATTATTTTCAGTATCACCCAGCCCGGTGGTGGTGGAGGCTAGGCTGTATCTCGCGAAGCCCAGGTTT
GTAGTATCGGGTTTTGGAGACCGCTGAACTCGCCTCTCTCCGAGCCA

>trans_s_8961 NM_001123987|Arabidopsis thaliana TOR (TARGET OF RAPAMYCIN); 1-
phosphatidylinositol-3-kinase/ protein binding (TOR) mRNA, complete cds

AATGGGTGCTCTGGATCCTCATGTGCATAAACGCAACCAACTAAGCTTGCCAGGGTCGCATGGAGAAGTAAC
ACGTGCAGCAAGTGATTCTGGTCAACATATTCAATCCGTAGATGAACT

>trans_s_8962 AF479224|Saxifraga mertensiana 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATATTTCCACGCGGGTTGGCATTGTCCTGACCTGACAGGCAAATACCC
GTGATCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGT

>trans_s_8963 AY220692|Oryza sativa box C/D snoRNA J54.1, complete sequence

CTGGTTACTAAGATGTTTCAGTGCATCAGAGAGATTCCCATCGACAAATCATCATCCTCATAAGAGTGCTGAT
GTCCCTGTCTATTTTATCATCATATGCCCAAGTTCGGGATGGATTG

>trans_s_8964 GQ435577|Luffa aegyptiaca voucher PS0469MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial cds;
chloroplast

CATATATCTTTTTCGGTCATTTTCATAACACATTACAATTTCAGTTAATAACCTTATTAATCAATGAAACCGTAGGA
CTCTATGTTTCGTCAGAAAAGGGCATGATAGTTACTTTTTTCCAT

>trans_s_8965 FJ182726|Capsella grandiflora isolate DoukadesKorfuGreece910_21 At1g78850-like
protein gene, partial cds

TTCCTAATGGCAACATGGTTCTCTCGACTCCAACGGCAAATTCGTTTGGCAGAGCTTCGATTCACCGACGGAC
ACACTCCTAGTCGGCCAATCGTCTTAGGCTAATAATGTGAGTGTCT

>trans_s_8966 GQ998338|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 ribosomal protein L22
(rpl22) gene, complete cds; chloroplast

CCAATACACCATAAAACAAACCTGGTGGATTGATAACTAAAGAAAAGTACACAGATATGACGTGTTATGAGATG
TATACTAATGGGGGATTATGGGACAAAGCATAAACCCACAGAAAAAA

>trans_s_8967 AB435244|Cucurbita maxima CmPhoH1 mRNA for alpha-1,4-glucan phosphorylase H
isozyme, complete cds

TAGGTAATCTCAGTTATCTCTCTGCTTTAATTCTCTTCTTCATGCTGGTATCAGTAACACTAGCGGTTTACAGTA
TAGAACTTTTCATGTAATATCGTATTGTGATATATAATATCGCGC

>trans_s_8968 Novel Gene

GCAGTCTCCACATTGCTATAAGCAGATTCATCAACTGACATTGTAACCTGAGCATCATCACTCGGTTCTTTGGG
TGAATCACCTTGATTGGAATTTATCCGAGGCGAAACGACGACCTTC

>trans_s_8969 XM_002894519|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata LEM3 (ligand-effect modulator 3)
family protein, mRNA

CCTATAGCTTCGGTGGTACCCAGAAATTGGTCCTTTCAACCACTAGTTGGATTGGTGGGAAGAATGATTTCTTA
GGCATAGCTTATCTTAGTGTTGGTGGACTCTGCTTGTTTTAGCAA

>trans_s_8970 BT010331|Arabidopsis thaliana At3g62310 mRNA, complete cds

ACCAACCAAAATCAAAGTCTGACTGCTCTTCAAAGCCTGAAAAAATTCCTCTTTCTGATGCCAAACAGGCAAGG
TCTTCCTCTTCTCAAAATCTCATAGTACCTCTGCGAGAACTGCCT

>trans_s_8971 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

GAGTACATTTCTTTGGCGCTTATAGCTAGGAAGCTTGCTTTGAACACGGTGATTGTTCTTGAACAAGAGGAAG
AAATTGATTTGGTTATTGATTTGAGCCAGAGGTTGTTTGTCTACTTT

>trans_s_8972 Novel Gene

CTCTTGAGCACCGGGGTGCACGTCGGTCAAGGACCCACTCGGTTGACAATGGAATCGGTTCTGTTTAAATTGG
TAGATGTTTTCATATTCTCTTTGAAACAACATCAACAGGTTTCTTT

>trans_s_8973 AY251719|Fagraea fragrans internal transcribed spacer 2, complete sequence

AATAGGTAAATAGAAGATTAGAGAATTTTCGGCAGCTGGCGCGGTTCGCAGGCAGATTAGTCCAGCGCCCAA
ATGCCGCGGTCTGTTGGGAGGAGTCCCCTAAGGAAACAGAGAAAGTGGAG

>trans_s_8974 XM_001698387|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CAGTGGCTTGGTTAAGGGAGCCTCCTAGGAGAGGGGCAAGCCGCAAAGACACACAGTCCAGGTCGCCAGCC
AAGTTACACGAGCGCGCACTCCCCGCTCATTGTGCCAAAGGGACAAAC

>trans_s_8975 Novel Gene

CGAAGGCGGAGAGCAGTCCAATGCCGATGAACTTTAGGTAGAGAGTACATGACACTTGGTTACTGGGGTTGA
AGCATTGAACGATGGAACACGCAGTAGTTAATCTCCGCCGAAGGTCCT

>trans_s_8976 NM_100031|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing
protein (AT1G01490) mRNA, complete cds

AGTGTGTGTCTAGCCTTGCAGGAGTGAACCTCAATCTCAATGGACATGAAAGAGAAGAAGCTGACAGTAACA
GGAGACGTAGATCCAGTAGTGATTGTAAGCATTTTAAAAGGAGCCCCC

>trans_s_8977 BT030338|Arabidopsis thaliana At2g26280 mRNA, complete cds

CAGGACACCACACTCGAGGCTCCCGCACTCCTGCTAGACTTCCAGTGGCTGTACAGAGATATTTGATCGAAGA
GGAAGGCCTCGACTTTAGCGAACCACAACCAGGACTGCTTAGAGTTG

>trans_s_8978 Y08804|L.esculentum mRNA for PR protein

TCCCTTGAACCAGGGGTTGGGCCCTCATTTTTTCAGGTAACCTTCAAACCTCAGAATATGTGTTATTCAATGCTGT
GTGGAGCATAACGGAAGGCTCATCCTCTGCAGAGTCGTAAAGTGGA

>trans_s_8979 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAGACCCTGGGGTCCCCCCCCAAAACCCTTCTTATTGGATGATCATTATACTTCCCAAAAATCGAAATTCTTGAT
CAATGGAGGAACAATATCACCATTTTTGGGACATAAGATAACCAA

>trans_s_8980 EU312159|Cucumis melo cultivar Madras 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2,
complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAGTACTAGTCCTGTAAGACTCCTTCACGACCCTTCGAACGCCGCCCTTAAAAGGACGACGCTCTCGACGCG
ACCCAGGTCAGGCGGGACTACCCGCTGAGCCCGGATGCGCTGCGCC

>trans_s_8981 GQ998541|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 photosystem II protein D1
(psbA) gene, complete cds; chloroplast

TAATGTACCATACACATCACATTTTACATTCTTTGAATGATGACTGCAGTTTCCAAGTTCTTAGGTTTTCGGGG
CATTGGAAGAAATGTAAAGAACGAGAGTTGTTGAACTAGCATAT

>trans_s_8982 NM_124844|Arabidopsis thaliana zinc finger protein-related (AT5G54630) mRNA,
complete cds

TCGCGATACTCTTCGAAACGAGCTAGGGTCCGTTGCATATTGTGAACTTTCAAGACTCTTCTATTCTTCCACTT
TGATTCTCGGACTTTAACCAGCTTGTTCTGCTACCTGAGACTGTC

>trans_s_8983 AF149311|Rauvolfia serpentina raucaffricine-O-beta-D-glucosidase mRNA, complete
cds

AATATTACGGCGGATATCCATACCAACCACTATACTACGAAGCACCGATGCAGTACCAAAGCTACTCAATGGA
AGCTAACCCGAGTTACTACTATAACCACACCATAGGTTATTGCCCCGA

>trans_s_8984 AY114165|Cucumis melo alkaline alpha galactosidase II (aga2) mRNA, complete cds

GAACTCTCCAAGGAAAAGAGAATTGTAAGCCACAGAAGAAATATGAATGGTGTGGGAGGCAGGATCACGAG
GGTAATAGTCATCAGAAGCTCTACGGTTGCAGTCTGTTTGGCACTGTA

>trans_s_8985 XM_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

TAGACCGAGCTTCGTTCTAAAGATCTACCGAAAGTGGAGCAGTTATGTTGTTGAGACATCGTTTAATGTACTG
GAGTTGACTTTCAACATTTCTGCAACCTGATCCAGTAGACCACTTT

>trans_s_8986 XM_002893444|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata autoinhibited Ca²⁺-ATPase 1
(ACA1), mRNA

CCGATTCCCGCTTGTGGCTATACGTGCATAGGAATTGTTGGTATCAAGGATCCCGTTCGTCCAGGAGTCAAGG
AGTCCGTTGCACGGGTGCCTTAATAAGGTATCCAGTGCATTTCGTTGA

>trans_s_8987 NM_001057630|Oryza sativa Japonica Group Os03g0719500 (Os03g0719500)
mRNA, partial cds

AATAGGGTATTTAATACCCTTGTTTGAGATCTACTACTATGGCTACTGTTGCTTCACCTCCTTCTACAGATCAAG
CTGCAGATTTGCTTCAGAAGTTGTCATGTCTACAGACAATTGTTA

>trans_s_8988 Novel Gene

GATCTGAGTACGGGTATCTCTAGGAACAAGCTTCTTACTGATGCACCACATCGTGAAGGTCCTACTCTCTCGAG
GATAGTCCGTCTACACCGTTCCTACAAATTAGTGAGGTGTTTAGTC

>trans_s_8989 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

GGACTTGCTCCCTGAGCGGTTGACAGCCGCAGAAACCAGGCCGCTGCAACTGTTTATTAACATAGCACTC
TGCAACACGAAAGTGGACGTATAGGGTGTGATGCCTGTTTCACCCT

>trans_s_8990 XM_002864477|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata xylose isomerase family protein,
mRNA

ACGAGGAAATTCTTGGGAAGAAAATGAAGGACTGGATGAGATTCAGTGTTGCATATTGGCATAACATTCCGTG
GGACTGGAGCAGACCCATTTGGTGCTGCCACCAAGTGAACAAACGTTT

>trans_s_8991 XM_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family
protein, mRNA

AAACATGCAAAAACAGCTTGAGTGGTGAATGAAGCTCCTTTTACACTCTTGGTCCTTTGACTACAGATGTAG
CCCCTGGATATGACCACATTACCTCTGCCTACAAGACTGAACCGAT

>trans_s_8992 NM_114840|Arabidopsis thaliana BSD domain-containing protein (AT3G49800)
mRNA, complete cds

ATCAAATTCCATGGGTACTCGAGGAAATATTGAGACTGTTGGTCATTCTATGCATCCAAATATTAATTCGCAGC
AGCATCACACATTACTGCATCAATGCAGGCTGTGAAAAATGCAGA

>trans_s_8993 GQ983728|Carpodetus sp. Johns 9563 photosystem II cp47 protein (psbB) gene,
partial cds; photosystem II subunit T (psbT) and photosystem II subunit N (psbN) genes, complete
cds; and photosystem II subunit H (psbH) gene, partial cds; chloroplast

GTAGAATTTGGGGCATTCCAAAACTTGAGATCCAACCTACACCCCTGACTCGACTCAGCGTGGAGCCATCTC
ACCTCCCCCCTTCCCGCCCCCAGCCCAGTGCGAGCGAAACGTTA

>trans_s_8994 AY146587|Triticum turgidum subsp. durum Pm3 locus, genomic sequence

GGGGGGCTAAAAGCGCGAGGACCGGCTACGCGCAGAGGAGCCAACCGTACGAGGGGGAAGGGGCAAGCCT
ACGCCTGTGCGTGTAAGAATTGTATAGGAACAAGACTAATCTTCGATT

>trans_s_8995 AY107387|Zea mays PCO149313 mRNA sequence

AGCTTGCGTGAAGACAGGTCCCAGGATTGAGAACTGCGAAGATCGAACCTTTTCTCATCGCGTAAGGAATG
GCTTGAGGCATCTCATAACCCGGGTGGGTTAATTTTTTGCTTAA

>trans_s_8996 FJ592190|Nelumbo nucifera cultivar Mei Ren Hong starch-branching enzyme I (Sbel)
mRNA, complete cds

CCACCTCCTTTGGAAAGGTATGAGTTTAAGCATCCACGCCCTGCAAAGCCCAATGGCCCCACGAGTGACGAAG
CTCATGTTGGAATGAGTAGCTCAGAACCACGAGTTAGTTCATACAG

>trans_s_8997 XM_002889642|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L10A, mRNA

GTGGACACCTCAACGTTTGCCAATTCTTTTCAACAAAGAAACAAGGAAATTGACGCTCATTTGAACGTTCTGA
CCTGAGACTGTCCCTTGCCCCGTAGGTCCTGACACAAGGTTAGAA

>trans_s_8998 AF395894|Anacardium occidentale vicilin-like protein (Ana o 1.0101) mRNA,
complete cds

TCTTTCTCATCACTGCCCTCTGTCTCGCTCTGGCTTCCAAAGATCCTGAGCTGAAGCAGTGCAAGCATCAGTGC
AAAGTCCAACGGCAGTTCGACGAACAGCAGAAACGAGATTGCGAG

>trans_s_8999 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

CGCTGTATTCACTAGAGCAATTATGATCTGGAAGTTGATCCGGGGCAAGTGTTCCGGATCTATTATGACATAGC
CATGAGGCGCTCAACGGACCTTTTAATCTAATAGAAAAAGGGGCC

>trans_s_9000 GQ998596|Plumbago auriculata voucher FLAS:M.J. Moore 306 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 6 protein (ndhG) gene, complete cds; chloroplast

ATTATTCATTATCAGTTGTTTATGGAAATTTATTTATCAACATATTTTTTCTTCCATTGAACTCATTCGATCAT
TCTCCCAGACGAACTAGCCGCGTTAAAGGCACCGATATTC

>trans_s_9001 EF382356|Cucumis sativus stachyose synthase mRNA, complete cds

CAATCAGACCATCTATGTGCCAAATTCCATGCAGGATCAAGAGCCATCTGTGGAGGTCCTGTGTATGTGAGTG
ACTCAGTGGGCGGCCATAACTTTGATCTCATAAAGCAGCTCGTGTA

>trans_s_9002 Novel Gene

AACCCCGATTAGGCGGCTGCCCCGCCAACGTCCTTAGGAAGATGAAGGTCATTGCCTCGGTTTCTCTAACA
AGCCTTGCTTATGGGTATGGGAGGGCTCCCGCTAGCTACCCCTTCA

>trans_s_9003 XM_001697724|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ACGGAATCGAGAGCTCTAAGAAGATCTAAGGGCATATATCTACAAACTAGAACTAATATCTTATGGAGGA
GGTGAATATTCCTGTACTACCCCTTGGGGCGGCACGCTCACCGGGG

>trans_s_9004 NM_116500|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein / beige-related
(AT4G02660) mRNA, complete cds

CATATTAATCTCTTGTTGCGGGACTTGTAATATGGTAGATTTAGAGTCCTCACTGGTTGAATTTCAAAGGTC
CAGGTGACTTATCCACTAAATAGGCTTTTTGCCCCGCGGGACTTG

>trans_s_9005 XM_002322846|Populus trichocarpa EIN2 -like protein, nramp transporter, mRNA

AGCAGGTATTTGGGAGCTCAGTGGTATATGTTCTTCTTACTCGTTCTGTTTCTATCAAATCAAATCACAGCTC
TCACATGGAGTCTTGGTGGTCAACTGTCTGACACCGGGAGGC

>trans_s_9006 CT009587|Triticum turgidum

ATCATCCGAAGGCAGGTGATGATATTATTGTGCTGCTTGGCAAGTTCTGTCTCTGAAGACTTTTTGGCGTATTC
TATGCGGGTAAGAATGAACCTACCTGAAAGTAGTTCGTCGT

>trans_s_9007 DQ099544|Petunia x hybrida cytochrome P450 NADPH-reductase (PR1) mRNA,
complete cds

ATTGCAAAAGTGGTAGATGAGCTGCTTGAGACTCAGGGTGGTAAGCGCCTTGTAAGTTGGTCTTGGAGAT
GACGATCAGTGCATAGAGGATGACTTCTCTGCTTGGCGAGATAGTGA

>trans_s_9008 NM_101973|Arabidopsis thaliana transcription factor (AT1G21200) mRNA,
complete cds

TCACAATGAGAATAGTAAGGGGAAGAAGGGATCGATGTGGCACCGCGTGAAATGGACGGATAAAATGGTGA
AGCTTCTGATTACAGCAGTGTCTTATATAGGAGATGATATTGCTTCAG

>trans_s_9009 AB242564|Chengiopanax sciadophylloides CsNramp1 mRNA for NRAMP family
metal transporter, complete cds

TGGGGAGGGGTTCTGGGTCATCTCTTAGCACTAACAACAGAAGAAAGCCGAAGACTGAGCAACGATCCGAGT
AAGACATCGGGATATGATCTCCCAAACGAAGATATAGTAAGCATGCA

>trans_s_9010 XM_002890077|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata leucine-rich repeat family protein,
mRNA

TGTGAACATATATCAGATCGAGGACTGGGACATATTGGAGGCTTCTCAAGGTTGACAAGTTTGAGTTTATAGGA
AAAACAGTGAAATTACTTCTCAAGAATGTAGGGTGAAACACTGTAG

>trans_s_9011 DQ836064|Populus tomentosa auxin-regulated protein mRNA, partial cds

GCTAACTTTTACATAGAGGCAACCAGATGGTCTGATTTGCCCTCGCCTTCATCAGTGTTCTTTGTGCAATTGG
TAGTGGTCATGGTGTTCTCCTGAAGGATCGAATGGGTGGCCATC

>trans_s_9012 AY149944|Arabidopsis thaliana At1g13640/F21F23_7 mRNA, complete cds

GTGGAGAGTATGGCGGGAGCAAGAGGATGGAAGGAAAACAGCCTACAGGGAGGAGAAGAGTCTTTGTGCA
AACCGACACCGGTTGTGTCCTTGGGATGGGATGTTGCGTAAGACAGTGTG

>trans_s_9013 NM_001036733|Arabidopsis thaliana bZIP protein (AT4G38900) mRNA, complete
cds

GGACGATGGTATGAGAGCATCCCGCAGTTGTGCTTGCTGTTCCATGGCTTGGAGACGGAACTTCAGCTCATTA
TTCTGGTTTGTAAGTCCAAGTCTCGCTGCAGAAGTGTGAGTT

>trans_s_9014 AB437372|Salicornia europaea OEE3 mRNA for 16 kDa precursor protein of the
oxygen-evolving complex, complete cds

AAAGGGTTGGTAGTGGAAGAAATGGCACAAAGCTATGGCATCAATGGCAGGACTCTGTGGTTCCTCTCAGGCT
GTATTGGAAGGTAGCCTTCAAGCCGACAATCTGGTTTATCCCTCACA

>trans_s_9015 XM_002326259|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca6
(Lhca6), mRNA

CAGGACAACGAGACCAGTCCCCAAAATGAAAGTTTCAATTTCAACCCGAACCAGAAGTAAATGCCGAAAAGA
TATTGCAATGGCCGGGATCTGCGACGTGTGCAGCAAGATTCTCAAGG

>trans_s_9016 AY059846|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g42090; MJC20.20) mRNA,
complete cds

GCTTTGAATCTTCTCTGTGAAGCTGAGGATAAATCTTATATTAAGCGTACTGGGAGTGCCCATGGTTGGGATG
TTCTGTTCTACATTTTCTTAAAGGGTATCACTTTGTTTAC

>trans_s_9017 NM_119463|Arabidopsis thaliana APM1 (AMINOPEPTIDASE M1); aminopeptidase
(APM1) mRNA, complete cds

GCTGGACAACCTAAGACAATTTTCCACCAACATTTTCCAATTTGCAGCAGAGAACTTGGTTGGGACCCCAAAC
CAGGCGAAAGCCATCTTGATGCTATGTTGAGTTTCTCCGGGGTG

>trans_s_9018 AC209224|Populus trichocarpa chromosome POP064-N07, complete sequence

GAGATTGTTTCAGAAGTACGAAGAACTATTTGCAAACATATTTCCAGAACTACCAAAGGGAGAGAGATCAGTT
GATGGATTAAGGATTTAGAGTGCCCATGGGTGTGTGTTTCATAGCAC

>trans_s_9019 XM_002307699|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T1.3), mRNA

GATCCTAATGATACACAAAATGAGAAGTCGAGAGGGCAGATTGTTGTGGAAATGTTGTACAAACCTTTCAAG
GACGATGAAGCTCCGAAGAGCAAACGACTCCGGTCGTGTCATGGAAA

>trans_s_9020 XM_002891677|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

AGGGATGGCTTAGAGTGTTATCTAAAGAATATCCAACCTAGCATTTTCATGCAAGCATCAACAAATCCTTTGGA
AAGGGTTCTCTCCTATCCGTGGACTCGCAATTTGCCTAAACAAA

>trans_s_9021 Novel Gene

TGAAGCAGGCAGAGTCAGTTCTTCTGTTCATCTGCCAAAAACCTGATGATTCTTCTAAGCCAAAGGACTCA
AATGAGAGTAAGAAAGAACCGAACCCTTCCTAGTCCACAGACTTC

>trans_s_9022 XM_002325598|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription
factor (ERF81), mRNA

CGATGAGGACCTTAGGGCAAGACACAGTACCATTCTGTGGTTTCCGTTCTCAGTGACTTCTATAGTCTTGTTT
GTCTCAGTATGTTTCTCACTCTTCTCAGCTGCTCCTGCTTTG

>trans_s_9023 AF234652|Mesembryanthemum crystallinum protein kinase MK5 mRNA, complete
cds

TCTACACGCCATTATCGAGCACCAGAGGTTATTCTTGGTCTTGATGGAGTTTTCTTGTGACATATGGAGCGT
TGGCTGTATCCTTGTTGACTTATGCTCGGTGTCTGCTCTGTTTCA

>trans_s_9024 AY117503|Dahlia tubulata external transcribed spacer, partial sequence

AAGGATAACGGGCCGGGGAAAGGTTTAAAAATAATACCCGATGGGTAGGCCTCTGTCTAACAACCAACCATTT
TTTGTGTTGAGAACTCTAGGACCGAGTTTCGTTTGCGACCGCCGTAC

>trans_s_9025 AY189719|Gossypium hirsutum ADP-ribosylation factor (ARF) gene, exons 1 through 7 and complete cds

TGTGCTGATTAATTTACCATCATCGGCACACAACATATTCATAAGCTACATTCTTGCCATCTTTGTCTTTCAAGTT
TTTCTTTAGTTTTTTAAACGAGACGACTTAAATACGCGACAGGG

>trans_s_9026 EF063359|Solanum lycopersicum phototropin-1 (PHOT1) mRNA, complete cds

ATCAACTATACCAAGACTGGTAAAAAGTTCTGGAAGTTGTTTCACTTGCAACCAATGCGTGATGAAACGGGAG
AGCTTCAGTATTTTATTGGTGTTACAGCTCGTCTTCACGAACATC

>trans_s_9027 BT026408|Arabidopsis thaliana At4g35190 mRNA, complete cds

ATTGGTTTCGAGAAGGTTGGATCTTGTTTATGGAGGTGGAAGTATTGGCTTAATGGGGCTTGCTCTCGTGAG
GTTCAACATGGAGGTGGACATGTCATAGGAATTATCCCAAAAACCT

>trans_s_9028 XM_002326259|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca6
(Lhca6), mRNA

CAGGACAACGAGACCAGTCCCCAAAATGAAAGTTTCAATTTCAACCCGAACCAGAAGTAAATGCCGAAAAGA
TATTGCAATGGCCGGGATCTGCGACGTGTGCAGCAAGATTCTCAAGG

>trans_s_9029 HM770453|Melilotus albus plastid glutamine synthetase 2-1 (GS2-1) gene, partial
cds; nuclear gene for plastid product

ACTCCAAGCGGGGCCCACTCGTGAGAGCACGAGATGTCTTGATTGCTTCTTGCTTGGTGAAGGGTTTGGT
TAAAATCGATGGAATGCCGGGCCCTACCAGCCCGTAGGAGTGAAA

>trans_s_9030 XM_002973233|Selaginella moellendorffii hydin-like protein (HY3), mRNA

CACCCACTTTGTTTGACCTTACCCGGTAGGCTGAGACACAGTTTTCCGACAGCCACCCAGGACCTCGATCTCTG
GGCTGACGAAAGAACCTAGAATTTCTGCCCTTTGTCCACCCCTAG

>trans_s_9031 AY146587|Triticum turgidum subsp. durum Pm3 locus, genomic sequence

GGGGGGCTAAAAGCGCGAGGACCGGCTACGCGCAGAGGAGCCAACCGTACGAGGGGGAAGGGGCAAGCCT
ACGCCTGTGCGTGTAAGAATTGTATAGGAACAAGACTAATCTTCGATT

>trans_s_9032 XM_002318498|Populus trichocarpa tir-nbs-lrr resistance protein, mRNA

AAATCAATACTTTCACTTTTCCATACACTTCTTCTTGCTAAAATCAGACTTCCCATTCTTTTTAAAGACCTTT
CTTGCCATAAATTGAAGTTATCCAAACCCTATGATTGCTTGC

>trans_s_9033 NM_119689|Arabidopsis thaliana BSK1 (BR-SIGNALING KINASE 1); ATP binding /
binding / kinase/ protein kinase/ protein tyrosine kinase (BSK1) mRNA, complete cds

CAATGACACCCTTGCGAAGCATCTCTTCCACTGGGAGAATCAGACCATTGAGTGGGCTATGAGATTAAGAGTT
GCTTTATATATTGCTGAAGCATTAGACTATTGTAGCTCTCAGGAAC

>trans_s_9034 AY106958|Zea mays PCO100533 mRNA sequence

GTCGGATTGTCCGGAGACATCGACCGATTTAGTGTTTTCTCTGTTTCAGAAGAGGGTGGAATATGTTCCAGCT
AGAAGGACTTTCAAGGGGTTTGATAACGGCGGGCGGTGATCGGATCA

>trans_s_9035 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

GCGGACTATTAGTATTATCGATATTGTTTTATGAGAAAATATCCCTTTTATATGGCGACTATCAAAAAATCA
GAAAATGTTACGAAATTCATATTAAGTGCATTAGTATAAGCTC

>trans_s_9036 AY961932|Picea abies eukaryotic translation initiation factor 5A 2 (eIF5A) mRNA,
complete cds

CGAAGCCAAGTCAATTCGGGGCCACCAAACCTGCAACTGATGAGAAGGCCCTATGGACTAAAGGGAAGCGT
GTACGTTGTCACACTCCCTGCCTTCGTTTCCACGGTCTATACTACTC

>trans_s_9037 U81312|Nicotiana tabacum S-adenosyl-methionine-sterol-C-methyltransferase
mRNA, complete cds

CCACGGTCATGTGGGGCAAAAGCCAAAGGTGATTCACATGAAGAGAGAGCTGAATCTGGTTCGGTTTGAAGT
TGCCTCCATGTTGATGTTTCATCTCCAATAATATGCATGGTTGTCCC

>trans_s_9038 Novel Gene

AGTGAATCTACAGCTTCAGTTGGTTCATCCGTTCCCATTCACATAAACTGACTAAGAGTGGAAGCTTCAGTAC
TAAGCCTACTAGTAACCCATTCAGTCCAGGCAGTATTGAAAAACC

>trans_s_9039 HM122472|Malus x domestica BZIP domain class transcription factor (BZIP2) mRNA,
complete cds

CTGAATCGGTTTCGAGCTTCTCCAGACCATCTCATGATGGACTATACCGAGCTATCGATATGTATCTCAAGGAA
CACCTGGAATCAGCGAGAGCGAGCGTAGAGGGATATGTCGTAGT

>trans_s_9040 AY104079|Zea mays PCO134626 mRNA sequence

CCAGGGAATTGAAATGCTCTCTTGGTTCTTTAAGACTGGTGCCATACTTTGGCTGGACTGTTTGTATACG
ATATCTTCTGGGTTTTCTTACTCCAGTGATGGTTAGTGTTGCAA

>trans_s_9041 XM_002886091|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FAT domain-containing protein,
mRNA

AGCGTGCTCAAAGCCTTTTTTATCAATCAATGGTTAAAGCAACCCAAGGTACATATAATAACACTGTACCGAAA
GCTGAGATGTGTCTTTGGGAAGAACAATGGCTTTCCTGTGCTAGT

>trans_s_9042 XM_003080742|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot08g02200) mRNA,
complete cds

GTGCTCCTCTGAGGCCAACCTGAGCAGAAAGTTATTACAGACAGACATGGACTCAAACCTCCCCTCTTTTGCCTT
GTTCCAAATCCTATAGAATCTGAATTAGAGACCAAAATATTCTTA

>trans_s_9043 EF208125|Cucumis sativus chloroplast HSP70 gene, complete cds; nuclear gene for
chloroplast product

TCCGTTTTCGGCGTTGGCCTGGGTCAAAGATGACAGCTCCATTTTGGCTTCTCAGCCGTCTCAGTTAGCCGCT
GAAGAGCCTGTTTGTCTTTCAGCAAATCAATGCCTTCATCCCTTT

>trans_s_9044 NM_001054196|Oryza sativa Japonica Group Os02g0664300 (Os02g0664300)
mRNA, complete cds

CTGCTGCCATCCTGGACAAGATAAAAGTTCCATATCGGCCATGTGAAGCCAAACTTTGCACACTTCCTACGGAT
CGTGACAGATTGCCTTGTGGGAAACAGATTTTATCACTGACACTG

>trans_s_9045 XM_002873482|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycine-rich protein, mRNA

AGAACACTGTACCTCCACGGGTACCAATGTGTCCTTTCACACTAGCAATGGGCTGGTACACATCTCCTGTAGGT
ATGTCGGCCCAATGAAAGTGAATCCTTCCCTCCACCACCTCCACCA

>trans_s_9046 NM_100076|Arabidopsis thaliana EDA10 (embryo sac development arrest 10); ARF
guanyl-nucleotide exchange factor/ binding / guanyl-nucleotide exchange factor (EDA10) mRNA,
complete cds

AACATTGTGATACGTAAGCGAGGGGAGGACCAGAACATGGAAACCAGCGATGATCTTATCAGGCATATGCAA
GAGCAATTTAAAGAGAAGGCTCGCAGAGTCTCTTCAGGGAGAGCGAA

>trans_s_9047 Novel Gene

TCAGCTCGATTTGGGGAGTTCTTGATCATTCTCCAGCTGAGATTCGACCTGGATATCCTCGTTGCGTCAGTTCA
AGTTCATCTCCAGCTCAGCAAAGCTGGTGAGAGAGAAAAGCCTAA

>trans_s_9048 Novel Gene

TGTCCTGGAACCTTGATTGGCTAATGCAGCTTGAAACAAAGTACTCTTATGGGTCCCGGAAGCATTGAATTTACT
TTGGTTATCAAAAAGTGAAGGACGAAGCAATCTCTGACAGGACGT

>trans_s_9049 XM_002892323|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATTIC110/TIC110, mRNA

AAGAGCTTGATAAGATACTTGAGTTCAACAGTTTGCTTATTTTCATTAAAGAACCATCCAGATGCCAATCGCTTT
GCTCCTGGTGTTGGCCAGTTTTTCTCCTGGGTGGAGAATGCAGC

>trans_s_9050 HQ449727|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc_SSR_18 sequence

AAGACAACAGCAGCACGAGGCTGTGAGTGACAGAGAGAAGGAACTCAACCTTTGCCGGAGTGGCTCTGCGC
CGCCGACGCAACTCCGAGAAATTGGCGGCAACCTCTATACAAATTAC

>trans_s_9051 Z70241|Olea europaea cox3 gene (RNA editing)

CCAAAGTCGTACAATTAGGACTTCGATATGGTTTTCTTCTTTTATCGTATCGGAGGTTATGTTCTTTTTTGCTTT
TTTTTGGGCTTTTTTTCATTCTTCTTTGGCAAAGCAAACGAGA

>trans_s_9052 NM_001035827|Arabidopsis thaliana VAP (VESICLE ASSOCIATED PROTEIN); protein
binding (VAP) mRNA, complete cds

GGAAGTAGGGCACTCGTCAAAGATCTCTATTCTTAGTTTCAATTTTTCCCGGTTTATCAGAACCTTTTTTTCGAT
TTATTACATAAGTAGTGAACAAATTCATACTTAAAAAACCGGAG

>trans_s_9053 EU161290|Callitris preissii 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGCGTCGAACAGTCAACTCAGACAGACATGCTGTGGAACTCTCCTCAGTGGACGCAGGGTCGTTATGGAA
GATCAAGTTTGAGGACGTATTGCAAAACGGGCAACGCTTTGGGGAGG

>trans_s_9054 AB183015|Solanum lycopersicum LeSDH mRNA for sorbitol related enzyme,
complete cds

GGTGCACCCCGAATTGTCATTGTCGATGTCGATGACTATCGATTGTCTGTTGCAAAGGATCTTGGAGCAGATG
AAGTTGTTAAAGTTTCAATTGACACTCAGGATGTAGATCGAGATGT

>trans_s_9055 AB306562|Closterium ehrenbergii CeRLK11 mRNA for receptor-like kinase, partial
cds

CGAATGCCCTCCCTGATGAAATTGATTGCCTTGAACCTGAATGGTATCATGATAAGTATGCTGCTGTTGGTTTG
GCAGATCCTCAGGTTGATTTGTAGTGTGCTGGAGAATGTGCG

>trans_s_9056 NM_129770|Arabidopsis thaliana ATNUDX23 (ARABIDOPSIS THALIANA NUDIX
HYDROLASE HOMOLOG 23); FAD diphosphatase/ hydrolase (ATNUDX23) mRNA, complete cds

TCAGTGGTGTGGAGGTCAAACAAAGCATGGAATACCCGATGGAGAGGAGAAATTGAGAGCTATTTGCACAG
TTTGTGGGAGGATAACGTATCAAATCCGAAGATGGTGGTGGGTTTGG

>trans_s_9057 GU129166|Populus nigra GATA-4/5/6 transcription factor (CO4-2) gene, partial cds

CATCCTCTTCGATCGAGGTCGGAGTGGTGCCAGACGGGAACGCGATGACAGATGTATCAAATCCGTACACGA
AACCTTCGACGGAATCGTCTGTTCAACCGCTGCATCAGAGCGGCCGT

>trans_s_9058 AF049905|Cucurbita maxima copalyl diphosphate synthase 1 mRNA, complete cds

TGTGGTCAAGTTCAAAGTACGATGCTCCAAATATCTTTATACTCTTTGTGTTTTCGACTCGGAGAAGGCAGACA
AGTTGAAGCAATCTCTCCACCAGTGGGTCTGTGTACCTCGAGTG

>trans_s_9059 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

AGAAGGGAGAGAATTGTGTGAAGATTGAGGAGGAGAAACCGGACAATCAAAGGAAGGGATCATTGGTTCCA
TTTCATAATCCTTTATTGGTCGGGGGTTTTACACAGACCTTGGGGGGG

>trans_s_9060 AF274565|Petroselinum crispum immediate-early fungal elicitor protein CMPG1
(CMPG1) mRNA, complete cds

AGAGAGAAGCTTTACAATAATGCACTAACTATTCCACTCTTAGTCAAGAAGATCCTAAGAGTTTCAGAGTTAG
CCACTGAATATTCTCTGTCTTATAACAACCTCGAGACGTCTCTGAA

>trans_s_9061 AJ313097|Beta vulgaris mRNA for salt tolerance protein 6 (sato6 gene)

CTATTTTTGTGGGAGATTTGGCTGGTGATGTTACTGATTATGTGCTACAAGAAACATTTAGGGCACGCTATAAC
TCAGTTAAGGGTGCTAAAGTTGTGATCTCACTTAGACAGAAGCGG

>trans_s_9062 Novel Gene

GATATGGATGGAATATAATGTTTATCTCGGTGAACTCCAAGAGATACTTTACTCCGTACCTTGCCTCGGTGAT
GCTTCTTCAAGGCCCTCAATATCCTTCCCAAGATCTAGACTATTG

>trans_s_9063 XM_001768201|Physcomitrella patens subsp. patens tubby-like protein
(PHYPADRAFT_58364) mRNA, complete cds

TAGCTCCATTGATATTGAAGAACAAAGCTCCAAGATGGCACGAGCAGCTTCAGTGTTGGTGCTTAAACTTCAA
AGGGCGTGTCACGGTCGCCTCAGTGAAGAACTCCAGCTGGTCACT

>trans_s_9064 FJ388886|Medicago truncatula plastid carbamoylphosphate synthetase large
subunit (CPSI) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

TTTGAAGCTACACGAGGGGCGGCCTCATGCTGGTGACATACTTGCTAATGGGCAAATTCAGTTGATGATAATC
ACTAGTTCTGGCGATAGCTCACTAGGAGCGTCGTTGTATTGCTCAA

>trans_s_9065 EU833958|Prunus spinosa S7-2 RNase (S-RNase) gene, S-RNase-S7-2 allele and SFB
(SFB) gene, SFB7-2 allele, partial cds

CTTGAATTTTACTTGGAGATATTCTATTGATGGACCTGTTTCTAAGTGACTCGGATTGGGAGAATTCCAGTGA
GTGTGATAGCAGCGATGACTCAGAGGTTGCGACTGCGTTATCATGG

>trans_s_9066 AY319307|Tropaeolum majus acyl-CoA-binding protein mRNA, complete cds

TCCCTTTCTCTTCCATCAGCATTTGGCATTGATCGAACAAGAACTCGTTTGGAGTACGGAGTTGCTTATGG
GAGCTAATTACAGAATAACAAGCATTGGATCGGTGAGACTCGGAA

>trans_s_9067 XM_001698153|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ATAAGCCCGTGCTATAGCTCCGGAACACCTATTGCAGGAAGTCGAGTGCGGGTCCTACTGGTGGATCCGGA
AGGCGTCGCGTACCAGTCCACCTGGAGGTATCCGTTGGGGGGAAAC

>trans_s_9068 X54694|Beta vulgaris subsp. vulgaris mitochondrion DNA for repeat II (partial)

CATCATATTTCAAAGGTTCTAACCCACCAAGCCCTTCTTCGTAGAGCCGTGTATTGTCAGTGATCCGAACCT
GCCCCGAGCGAGCCTCCCATAGAGGCAAGTTCAGTTGGTGAGCCA

>trans_s_9069 Novel Gene

GTTGAGTGCGACGGAGATTGACAGAGACTCTCGAGAGGAGAACTCTCTATGGGTGTTGCGGTGTTCTTTCTG
CCTACTACTACTGCTCTAGATTCTCGCGAGGATGAAACAGGGGACCC

>trans_s_9070 EU136026|Hevea brasiliensis coronatine-insensitive 1 (COI1) mRNA, complete cds

AGAGCTCAATTCTGGAGAAAGATGGACAATGGTTACGTGAACTTGCTAGGAACAACACAGCGCTTGAGACGT
TAAACTTTTACATGACAGATCTTACCCAAGTTAGATTTGAAGATCTT

>trans_s_9071 AJ249331|Cucumis sativus mRNA for heat shock protein 70 isoform-2

TATGTTGCCTTCACCGATACTGAGCGTTTGATTGGTGATGCTGCTAAGAACCAGGTCGCCATGAACCCGATTA
ACACCGTCTTTGACGCAGTCTCACCAGACGGTGAGGAGAAGTGTAG

>trans_s_9072 XM_002893096|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1507, mRNA

TCAGGGGGTGGATATAGCTAATTTTGAAGCCAGAATGCAGGCAATGACGAAACCAACATACACTGCTATCGTT
CAGCATGCAAAGAATGGGAAACCTGCTATTGTCTTTGTTCCAACAG

>trans_s_9073 HM122539|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL9) mRNA,
complete cds

CAAGGCGCCACTCGAGAACATTGTTATGTGACCGGTGCCATTCAAGCAGCATTGTTAGATGTCCTGAAGA
GAATATTTCACTTTGTCAACATTGTGACTATATGGGGCATAGCTCA

>trans_s_9074 NM_111093|Arabidopsis thaliana BIG (BIG); binding / ubiquitin-protein ligase/ zinc
ion binding (BIG) mRNA, complete cds

CTCAGGAGTCCACACTTGCTCATAGACTAGTGCTATGCTCAGATCAAGAGAAATTATATTTCTGCAACTAGCA
ACTCCATGCCGTAATCATCTTCAAGAAAACTAAGTAAATCCAATT

>trans_s_9075 DQ249855|Peltaria alliacea internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene,
and internal transcribed spacer 2, complete sequence

GACTGTGATCTCGTTAATGAGACTGCTATTCTTATAAATCCAGATTCCGTTACTCTGTCTCTGTTTCTAAGCAC
TGTACGACTCTGTCGTCCTCGTGGTCTCGTTAGAGGATGTTGGA

>trans_s_9076 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

CAGTACCCGAGAACCATACAGGATTTAGGAGAAAGACTAAAAAGCAAGGTCCTGTTTCTGCATTGATTCTTA
TGTCTTGTAGTAGTGGGTGTAGAGGCTCTCCGTCCTACTTTCAATT

>trans_s_9077 XM_001696869|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CCGTCGTGTAGTGAGCACGAGGAGCCCCACTCGTGTCACGAGCCTTCCATGCTATCTCAAATAGCACCAGTTC
GCCACCCTCGCCTGTGGTGGTAAGACAAAGATCAAGCCAAGTACCT

>trans_s_9078 HQ603315|Ulva torta voucher GWS006531 28S ribosomal RNA gene, partial
sequence

CTTCCTGTCCCTCAAGGTACAGAAGACCAAGGCTAAGTGGTAGAAGGCGACCTAGAGCATGCAGTAGAGTTT
AACCAGGAGGGAACCAGCTACTAGACGGTTCGATTAGTCTTTCGCCC

>trans_s_9079 EU926573|Hordeum vulgare RNA-directed RNA polymerase 1a (RDR1a) gene, partial
cds

CCCTATGCAATTTTCATGGCATTGGAGGCGTTAAACACGAGCATAGATTGAATTGCTTATGCTCTTCAGACTTG
CTGAGATTTCTTTGAAGCTGGTCTAGTAAGCCTAGACGTGATGT

>trans_s_9080 GU808569|Withania somnifera cytochrome P450 reductase mRNA, complete cds

CATGCAGGGCAAATGTGGCAGTGAGAAAGGAGCTTCATACTTCTGCATCAGACAGGTCATGCACCCATCTGG
AGTTTGATATTTCTGGCACTGGACTGACATATGAGAATCCTTTGCAG

>trans_s_9081 AJ319667|Medicago sativa subsp. falcata mRNA for beta-tubulin

CCAAATAATCAAAATCAGCATCATCATCAACCGTAGCATCTTGATATTGTTGATACTCAGCCACCAAATCATTC
ATATTACTCTCAGCCTCAGTGAATTCCATCTCATCCATTCCCTCC

>trans_s_9082 AY613340|Prunus dulcis cultivar S53 RNase-like gene, partial sequence

TATCAAGTTCAACTGCGGTAGAGGGACCTTTACTCTCAAAAACCTTTGATTCCAAGCATGGCAGGAGATTCAA
AAGAAAACATTTGAAGTACCAAAACCCGTCGGGTACGAGACTAGAC

>trans_s_9083 DQ335811|Medicago truncatula cytochrome P450 monooxygenase CYP72A62
(CYP72A62) mRNA, partial cds

CAGCTGATGTGATTCTAGAACTGCTTTTGGAAGTAGTTACGATGAAGGGAAGAAAATCTTTCAACTCTTGAA
AGAGTGGGCAATGCTATTGATGTCATACCTAACTAAGAGACGTGCA

>trans_s_9084 NM_001063463|Oryza sativa Japonica Group Os06g0168800 (Os06g0168800)
mRNA, complete cds

ACGGAGAGTGGTTTGCTGAAGTGAATTTCTGGGCCAACTGTTCATTCTCACCTTGTGAAATTGATTGGCTAT
TGCATGGACGATGAGCAACGGCTGCTCGTGTCTGAATTCACATTA

>trans_s_9085 AF149361|Psychotria anceps internal transcribed spacer 1, partial sequence; and
5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence

TGGAGATGGTGGACTGGGCGGTGAATATGGCAATAAGTTTGTCTGGTAGTGCTGAGGAGATTCTTCACT
GTTTCTAGCGTTCGGCGCAGATCGTGGTTCTCCGTACGTATTTT

>trans_s_9086 XM_002884987|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPME3, mRNA

GGGCAAATGGAAGTGGAACACATGTGCAGCAATGCGTTAGCCATGATCAAGAACATGACGGACACAGACAT
AGCCAATTACGAGGCTAAAATGGGAATAACCAAACCGAAAAAACAGTG

>trans_s_9087 AB374428|Arabidopsis thaliana AtBAS mRNA for beta-amyrin synthase, complete
cds

AATGCGCTTATTCTCGCTAATCCGACGCTGGTGAGGCTTGGTGGTTGGAGAAGAGGGATGATTATAGGCAGT
GAAAAGCCAAGTGAGAAAACAAGAAAAGATATGATGATTAATTTTGG

>trans_s_9088 XM_003054962|Micromonas pusilla CCMP1545 kinesin-like protein (FAP125),
mRNA

ACTCCACCGCCCCGGAACGCCATCAGTCCAAGAACAAAAAGTTTCAGTCAGGAAAGCCGTCAGTCCGGAGGAC
GGGCTCATCCCGTGTAAGAATTAGGAATTCCTCTTCCAACCTCGTCCG

>trans_s_9089 GQ997925|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 23S ribosomal RNA
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TTGCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCGCTTCGTCCACAAAGTAACTATACTTCCCTTCCCTCTAAGGCGG
AACGCTCCCCCTACCGATGCATTTTTTGTACATCCACACTCTTCG

>trans_s_9090 NM_201856|Arabidopsis thaliana purple acid phosphatase (PAP13) (PAP13) mRNA,
complete cds

TTAAGCGATTGTTTTGCTGGTGGGAACGAATAGGATTTTTTGGGGGATCCAGAATCTCGATTATTTATTGAGTT
GGCTCTTTGTGGATCTCAATGCTTCTTTAATTCGATGGAACAAAG

>trans_s_9091 Novel Gene

AAGAAGGGTCTCAGGTTTTGGGCCTGTAGCTTTCCCGTCCGCCCTTCGTCGGGTGGTGCTTGTGTGGGGGGT
GTGCTACCAGACCGATTAGGTCCTAGAGATAAGATGTGATGTCTA

>trans_s_9092 FJ768022|Glycine max transcription factor MYB392 mRNA, complete cds

CCACAATTACCGCAGATTACAAAGAGATGGAGCATAACAACAAAATCCAATTAAAAAGATCGCGTTTGAAAT
ATAAAATTAATTCTAAGGAAAGATGTGGGAGCCTGGGCGAGTCCCT

>trans_s_9093 BT030091|Arabidopsis thaliana At1g21130 gene, complete cds

CCTATATCTGGGGATGCTCTGCAAGGATAGAAGAGAAGATGAATATGGATTCTGACTCGTCCGGAGGTGAA
TATGGAATTGACTGAGTTCCACTCCTGATAAGGGAGAAAAGTCCTTCT

>trans_s_9094 FJ708669|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

AATTGGAGTCTTTGTGGGTTAATGGACAAAAGAGCGTTGATAAACTTAGTGGGAGTGTTGATGTTTTGCAGAA
CATGACTTCTTTGATTGAAGTTTGTTGCATTCGAATTCATTTTCG

>trans_s_9095 HM106986|Cymbidium goeringii drooping leaf mRNA, complete cds

TTTTAAGGACGTTACCTTTTTCTTTCCGCTCATAGTCCTGACGCTGAAATTAACGGTTCTCTCAGATTTTCCCTC
ATCTCCTTTAGCGCTTTCATCCAGCAATCGGAACTACAATCCC

>trans_s_9096 AB055904|Pisum sativum SN4TDR mRNA for 110 kDa 4SNc-Tudor domain protein,
partial cds

TACCGTAGCACGTGAGAAGGGTTCCGACCACCGGTGAAACGGTGACCACTGAGAACATACTCAACAACAGCT
GGAATCCTCCTCCCACTCCGGTGTAGGAATGGCAAAAAGTCTCGAGA

>trans_s_9097 NM_202559|Arabidopsis thaliana SYP121 (SYNTAXIN OF PLANTS 121); SNAP
receptor/ protein anchor (SYP121) mRNA, complete cds

ACCGTTTTTGATGATGGCAATAATTGTCCATTTCCGGGTGTTTTCTGGTATACTCTGGCTGTTGTCAACTCCTG
CGTGCCACCTCGAACAAAAGAATGAGCCCTGTTCACTTGGCTTT

>trans_s_9098 U97530|Prunus armeniaca ethylene-forming-enzyme-like dioxygenase mRNA,
complete cds

CGAAAAGATGATCAGTGGTATAGAGTCCCTGTTCTGCGTTGCTGATTCTTCTCATCATCATTGGGGAACA
AGCCGAAATCATGAGTAATGGAATCTTCAAGAGCCTTATTCATC

>trans_s_9099 GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete
sequence

CATAATAATATACTACCTCATACGCCTCGCTGCAAGATTTTGCTAACAAACACGCGGCATGTAGGCAACAGGA
GGGGCGGGCGGCGGCGGCTGCGGGGCACCGCCCCTAAAATACTCG

>trans_s_9100 Novel Gene

ACGAATGACTCCAACACTAGCATGAGCTACAAGAAGTTTTTCATCTTTGAGGAGATGCTTATATTTACAATAT
ATAGGTGACCCATTCTCTTGATACCATAGCTCTATGACTTAGA

>trans_s_9101 EF469866|Helianthus annuus RFLP probe ZVG7 mRNA sequence

TTTGATGGCATGGGTTTCCTACAGGCCATCGTTGGCAAAGGGTAGTCTTCAATAGCAAGCTTCAGTCCATGT
GGTGCAATTTGGGTCCTCAACGGCCAACCCCTGTTAATTAAGTCA

>trans_s_9102 NM_113186|Arabidopsis thaliana TIF3C2; translation initiation factor (TIF3C2)
mRNA, complete cds

ATAGTATTCAACACTTGGACATCTCAACGCAGATCCTTTTCAATAGGGCAATGGCTCAACTTGGTTTATGTGGC
TTTCGGGTGGTCTGATCAGTGAAGAGTGCTTAGTGAGGGACTC

>trans_s_9103 Novel Gene

AGGGATAGGGAGAGTCCGTCGGCCCCCCCCTGTTATTATCATTCTTCTATTAGTTTTTCTTTCTATTTGCGAT
CGATTATCTGCTTTAAGATCTGTGAACCCCTGTGGATCTTTCT

>trans_s_9104 AY381037|Meiracyllium trinasutum PsalB-like (psalB) gene, partial sequence;
chloroplast

CGCAGATGTCATGCTTGCTTTTGGTACTCCGGAAAAACAAATCTTAATCGAACCCATATTTGCCCAATGGATTC
AATCCGCTCATGGTAAACTTCCGCGTTAGGATCGTGACGGGGC

>trans_s_9105 BT024720|Arabidopsis thaliana At5g20080 mRNA, complete cds

TGCCCTTCCTACACATCCTGATTCCTTAAGCATGCCATCAAGCTCTCCCTGTGAGTAATCGGGAGCTTTGTCCCC
AGATATGTGTTTCATCATCCCTGGTGGACCGCATACGAGGATT

>trans_s_9106 HM216779|Stachytarpheta mutabilis NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene,
partial cds; chloroplast

TACTAGTTCGAATTTGATCCAAATTTATATTTTTTGGGAATTGGTTGGAATGTGTTCTTATCTATTAATAGGTTT
TTGGTTCACTCGACCTACTGCGGCAGGCAGAACACAAAAAATG

>trans_s_9107 AF017157|Cucumis sativus 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGGTTAAACTCTACTGCGGTGACGATACTGTAGGGGAGGTCTGCGGACATAACGTAATCCCACCGAGCG
ATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATT

>trans_s_9108 X57696|B.vulgaris ScoxII-2 gene for cytochrome oxidase subunit II

GAACCATGGCAATTAGGATTTCAAGACGCAGCAACACCTATGATGCAAGGAATAATAGACTTACATCACGATA
TCTTTTCTTCTCATTCTGATCCCCAGGGGATGCGACGTTCTCT

>trans_s_9109 AM748036|Arabidopsis thaliana genomic region affecting the accumulation of flavonol 3-O-gentiobioside 7-O-rhamnoside, ecotype Landsberg erecta

TTTCAAGCTGGACTGGGAGAAAGCCTTTGAATAGGGATCAGTCTTTCTCAAATTCTCTCTCTTCAGTCGAGC
CTTGTTCAATTGACTCCTTCTTAGTCGAGCTGCTTCGCACCTTTC

>trans_s_9110 NM_001056415|Oryza sativa Japonica Group Os03g0305100 (Os03g0305100)
mRNA, complete cds

GAGCCATGGCCGGAGCCAGAGACATCGACGATCTACCGAAGAACGACGCCAACTACACCGCCTTGACGCCAC
TCTGGTTTATCGAGAGAGCTGCCTTGGTTCATCCTTCCAGATTATC

>trans_s_9111 X05084|Broad bean (Vicia faba) U2 small nuclear RNA

GATATTAAATTTATTTTTCTAGGGGGAGGGCCCATTTTTTAAAAAAATTTTTTTGGGCCCTCCCCCTAGAAAAAT
AAATTTAATATCATGTGGGCCGATGGCCACGTATCAGATATT

>trans_s_9112 Novel Gene

CGTGATCTTTTATCCAGTTAATGCATTGTTCAGTACCCCCAGTTTTGCAGTATGACTATAGATTTGGTGCAAAGT
TGCCGTATAACGAGGGTCGCCCCTGGCTGGTCGCTTGTCGCC

>trans_s_9113 Novel Gene

AAATACGTCAACGCTCAAATTTTCATGATTATTTCTGATCCGATCTTTTTATTACTTATTAATACGACTTATTTT
CGTCTTCGACAAAAGGTCCATTTATATACATATTAACGTAAC

>trans_s_9114 Novel Gene

TCCCTCTCGAGGACTATCTCTGCGAAGACAGAAAAGAAGATAGAGATGTATGAAAGAGAAGATAAGAACTTG
ATAAACCAAATAAACAAAAAACCTATCCGCCTCAAATTCTTCTCC

>trans_s_9115 HQ244994|Mangifera indica p-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase mRNA,
complete cds

AGGTTAAGCGGTTCCATCATATTGAGTTCTGGTGTACCGACATCGTGAATGTTGCTCGGAGATTCTCCTGGGG
ACTTGGTATGCAGATTGTGGCTAAATCGGATCTCTCCACCGGGAA

>trans_s_9116 NM_119381|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-
containing protein / clathrin assembly protein-related (AT4G32285) mRNA, complete cds

ATATTCAACAGCCTCGTACCCCTTCTAGTAGCATACAAGATCTCCTCCTGAAACACCGGGTCCCCTTCATTCAAC
AACCTATGCACAAGTATGAGTGCCTTAAGCGCCACAATCCAAT

>trans_s_9117 XM_003075286|Ostreococcus tauri pfkB type carbohydrate kinase protein famil
(ISS) (Ot02g07310) mRNA, partial cds

TTCAACTGGAATCTGCAATAGAGAAGTCAACGTCACAGCATCAAGAGCTGGAGAAGGAGCTGAAAACCAACAA
TTGGGAACGAGGAGTCTACATCCTCCATCTAGCCACGTCCTATGCG

>trans_s_9118 NM_001164333|Zea mays deoxy xylulose synthase 1 (dxs1),
mRNA gb|GQ229460.1| Zea mays 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase (dxs1) mRNA,
complete cds

ACAAGCTACGCGCAGGCGTCACGATGATGGCGTGTGACGGAGTAAGACCTGCTTCAGCCAGTTGGTCTGCTG
GTGATCCGTGGTCGATGTATCGGTCGGGAAGGACTAGTGGTCTCCA

>trans_s_9119 AY029747|Populus deltoides 23S ribosomal RNA, 4.5S ribosomal RNA, and 5S
ribosomal RNA genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

CCGGAGTGTAGTGATCGGTTATACGAAAAGAGAGTACGAAAGAGAGGGGAGAAGGGAATATTCTGGTGT
CCTAGGCGTAGAGGAACCAACCAATCCATCCCGAACCCAACAACCG

>trans_s_9120 GQ998232|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

GGAGGACTGGCTATCCCAATTCCAAAAATATTTATGACTTTAGTATCTTATCGATGGCTTCCCTTGCATTGCCT
GGTATGAGCGGTTTTGTTGCAGAATTAATAGTCTTTTTTGGGG

>trans_s_9121 AC183493|Brassica oleracea Contig B, complete sequence

GGAAAGATAATGTTTCAGTATACCTATGATAATACTTAGGTAAGGGACAAAAAATCAAAAACTAAACACTAAAT
ATAGTTAATCCTTGAATTTGAAGTAATACAGAAAGAAAATAACA

>trans_s_9122 Z50099|S.tuberosum mRNA for transketolase

TTTTGAGCGTGTTACCAATGGTTGTTGTACCTTGATCATTGTAGGCTTGTCTTTAACAGCTTTAGCTTCCTGAA
TTGCCGCACGGATTTTCATCATAGCCAGTGTTCATTCTTCAC

>trans_s_9123 NM_001063619|Oryza sativa Japonica Group Os06g0203200 (Os06g0203200)
mRNA, complete cds

TGAAGTTCAAGACACTAAACTAATACGGTTCAGGTTTCATCGAGCTGGGTTTGTGATATTGTGCATGGGGAAA
TACAGTGGGATGCCATACATACCAGAGTTCCCAACAAACAGGAAT

>trans_s_9124 EU594575|Spinacia oleracea 17S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGATAAAAAGTTCCCCATGGAACCGAAGAGGACCTAGTAGACAGTTGACGAGTTAACAACGACTCTCGGCAA
CGCTATAGAGCCGAGAGCGTAGCTACTTCTTGCATCGCTTTACGCT

>trans_s_9125 NM_001070902|Oryza sativa Japonica Group Os10g0331600 (Os10g0331600)
mRNA, complete cds

AGGTGCTGCCGAGCTGCTCCTCCACCGAAGAGAAAAAGGAAGAACCCAAGGAAGAGAGTGACGATCTAT
ACCCTAAGTCAAACAACTAATCCAATTCTAAACCGTAGCGTACCCC

>trans_s_9126 DQ354172|Valerianella muricata internal transcribed spacer 1, partial sequence;
5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTGATTACCGCTAGCCTGTAGACATAGCAGTTTTCGGCCGGGGTTAAGAG
TCGTTGGCACCATCAGAGATTACCATTCGCGAGATTAGAGATACG

>trans_s_9127 GQ998731|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 cytochrome c
heme attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

AGGGTGATAATCAAGGGCGAGAGGTTAGAGTAACCAATTTGAGTGACGTAAGTATGATGGTATTAGGTTAT
GCAGCTCTTTTATGTGGATCATTATTTTGCTGTAGAACTCAGATCA

>trans_s_9128 NM_105239|Arabidopsis thaliana SMP1 (SWELLMAP 1); nucleic acid binding /
single-stranded RNA binding (SMP1) mRNA, complete cds

ATGAGGATGAAGATGATTTGAAAGTTGATGAGGCAAAGGTAGATGAAAGCAAACAAATGGACTTTGCCAAA
GTTGAGAAGCGAGTACGTACAACAGGTGGTGGGAAGCACAGAGGTAGT

>trans_s_9129 FJ870998|Gossypium hirsutum ATP synthase beta subunit 1 mRNA, complete cds

GAAGATCACCGATGAGTTTACTGGTGCTGGTGCGATTGGACAGGTGTGTCAAGTGATCGGTGCTGTTGTCTGA
TGTTAGATTGATGAAGGATTGCCGCCTATCTTGACGGCTCTTGAG

>trans_s_9130 D79217|Cucumis sativus CR20 gene for noncoding RNA

TCGCTGCTGTGTGTTTTCTTCTCGTTCTCTTACTCTCAGTTCGTCTATCTTCAACCGCCATCAACTGCTTCTTG
GATTCTCTGATTTGCGCGCCGCCGCGCCGAGCGTTTTTCTC

>trans_s_9131 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds,
haplotype: S4

GTGGGTGTAGGAGTTTGAGCGCATCTTTTTCATATCGATCAAGCGGGTTTCCTTTCATTTTCCGGAAAGCCTAC
TATTCCAATCTAAGCTAGAAAGAGGATCTGGATTTGTCTGCAGA

>trans_s_9132 AF366293|Brassica napus glutamate 1-semialdehyde aminotransferase (Gsa) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GCAGGACCAATGTACCAGGCAGGTACCTTGAGCGGTAATCCATTAGCAATGACTGCAGGGATACACACACTA
AAGCGATTGAAAGAACCGGGTACCTACGAATATCTATACTCTAAGC

>trans_s_9133 Novel Gene

GGGGCCAACGCCAATCATAAAAGACAGTCTACAAGTTGATCCAGTAAATAAGACTTCTTTGTATTAAATTCTA
CGAATCATTAACAATTTTTTTTTTGTGTTTTAAATAATTAAA

>trans_s_9134 HM051059|Salvia miltiorrhiza ADP-ribosylation factor mRNA, partial cds

GGTTCTAGGCTTTGTCCTGACCACCAACATCCCATACGGTGAAGCTGATGTTCTTATATTCCACCGTCTCCACGT
TAAACCCGATGGTAGGAATAGTTGTGACGATCTCTCCAAGCTT

>trans_s_9135 NM_001049206|Oryza sativa Japonica Group Os01g0265700 (Os01g0265700)
mRNA, complete cds

GTAGAATCAATGCACCTCGAGAGCATGAGTGTGTGCATGTCCATGAGATAACTGAAGCTTCGGGTACCGAGG
AAGCAGAAGCAGATGCGGAATACGACAATGCTTTAAAGGAAGCAAT

>trans_s_9136 AY289627|Rhizophora stylosa 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATCGTCCCTTCTGCCGGGCTATATAGAAACCGGGGGGTGACGCCGGGTCGTGCCTCCGGCGCTACCGTCCCA
GGAGGATTAGAGTGCTCAAAGCAAGCCTACGCTCTCTCACGTAATT

>trans_s_9137 XM_003055085|Micromonas pusilla CCMP1545 SNF2 super family, mRNA

CATCGGTGGGTTTTAGATCCAGATGGACGCGTCAACGGAGGCGTAACTAACTGCAACTCTTCAAACCTAATC
GTCTTCGTTTCAATCGGAGGCAAGGCGAGAGTCGGGGGGACAGTT

>trans_s_9138 EU907939|Zea mays CBL-interacting protein kinase (CIPK16) mRNA, complete cds

AAAGCATTCAAGTGGAGTTTTCTCAGAGCCTCATGGAAGCAGTGATGACTTCGATACTAGTGTTCTCATTGCT
TATCCTTCTCCTCTGGCACGAACAACACGCCTGTTTCCAGGAGA

>trans_s_9139 HM122701|Malus x domestica TCP domain class transcription factor (TCP9) mRNA,
complete cds

TGCCAATAGCAATAACAGAATCAACAACCATTGATGCAAAGAAATCCTTCTCTCCGCCAATGAGCTTAGATGA
AACTGCCACAGGCCGATGCCAGGAGCGCGCAGATGCCGAAGCCCG

>trans_s_9140 NM_001054737|Oryza sativa Japonica Group Os02g0762200 (Os02g0762200)
mRNA, complete cds

TAAGGAAAGCCAAATCCAGTGGGGGGCCGGTGCCTTTCTTTGACGGCCTCAATTCCTATTTTTTCAGCCGTGG
GGAAGCTCGGTCTGGGAGAGAGAAAAGGGAATCCAAATTCGTTTCGCTT

>trans_s_9141 Z71395|N.plumbaginifolia mRNA for calreticulin

CAGATGCCACCAAGCCCCAAGACTGGGATGATGAAGAAGATGGTGAATGGGTCGCCCCAACCATTCCCAACC
CTGAATACAAAGGCCCATGGGAACCTAAGAAAATTAAGAACCCCGG

>trans_s_9142 Novel Gene

AGAAGCTCATCGATATGGAGAAAGATCATAGTGCCCATAACTACCATCCAATTCCAGTAGTATTCTCTGAAGC
AAAGGGATCCTCAGCGCAAAGTTTGAGAGGTAAGAGATCGAGTTC

>trans_s_9143 AF061515|Spinacia oleracea ferroxin-dependent glutamate synthase precursor,
mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GGACAGGTTTTTGAGAATACAGAAGTTAAAAAACGTGTAGCGTTGTCATATCCATATGGAAAGTGGATCAAG
GAAAATATGCGCTCATACTTCGCTGAGAATTTTCTGCATCACACT

>trans_s_9144 X76086|Cucurbita pepo 14-3-3 protein

CGTGCAGGATTCAACTTCTCCTTTACATGTTTTATTCCGGAGGAGTGCTTGTTTGAAATTCGCTTTTCTATTG
TTATCTAGGTATTTCTTAGCCTTTTATCATGTGGTGTGAGACA

>trans_s_9145 DQ431683|Striga asiatica SRR384 mRNA, complete cds

AAAGCCACGGATATGGGTTCTGATCAGTTTCCGGCGGGTCTTCGGGTTCTGGTTGTAGACGACGATCCTACCT
GTCTCAGGATCTTGAAAAAGATGCTTCAGAATTGCTGCTATGCTG

>trans_s_9146 HM363120|Chasmanthium latifolium 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial
sequence; chloroplast

CCACTCTGGAAGAGCTCGGATTCTAACCTTGTGTCAGACCCGCGGGCCAAGGGACAGTCTCAGGTAGGTGAC
CCTCGCAAAATACGAATTCTTTGGGGGGTAAATTCTTATGTCCCCT

>trans_s_9147 HM122695|Malus x domestica TCP domain class transcription factor (TCP3) mRNA,
complete cds

AAGCAATTTACCAACAGTTACTAAAGCCAGGCGTTCAATACCATCAAAATCAGCATGCTCAATAGCAAGTATT
CCAGCATCTGCAAAATAGTTCCTCTGGGAAATTGTAGATCAACTG

>trans_s_9148 Novel Gene

TCCCAGTGATGCTTCAAACCTTCATGATTCTTTGTGTTTTCAGGATTTCCAGTAAGTCTGACCATCGATTTGGTT
GTTGCTTTTGATATTGGACTGGATTGTTTCGTCTTTTTGTGTC

>trans_s_9149 XM_002304310|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,
ABC transporter family, mRNA

ATCAGAAGCCGAAGTATTCGAAGCAGCGAAACTCGCCAATGCTCATAACTTCATCAGCGCTCTTCTGAAGGC
TACTCAACAAAAGTTGGTGAAAGAGGGATACAACTCTCTGGTGGG

>trans_s_9150 EF104641|Carthamus tinctorius ATP synthase CF1 alpha subunit (GPY2) mRNA,
complete cds; chloroplast

AACAAACAGCACAATGCTGATACAGGAGGGAAGTTCTGTAAAAGCAACGGGAAGAATTGCTCAGATACCAGT
AAGCGAGGCTTAAATCCAGCACAATATTTACGGGACCGATTGGA

>trans_s_9151 DQ371902|Glycine max circadian clock-associated FKF1 (FKF1) mRNA, complete cds

GAGTTGTAAGTTCCCTAGCCAAGCGCCCCAACCGAGTTTCTTTGTCATTTGTTCCAATGTTCCAGTCACTTCTC
TTCCCCATGCATTCTGACATACCATCTTCTTAAATGCTCATT

>trans_s_9152 XM_002324035|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

ATCAGTGTTGGGTTTTAGGGAAGCTCCATTCATCCATAGGCAAGCGTTAATTTCCATTGTTGCCGTGTTGGAGA
TTATTCGACGAGGAATCTGGAATTTCTTCAGGTTGGAGAATGAG

>trans_s_9153 AB271016|Ipomoea batatas mRNA for ADP-glucose pyrophosphorylase beta subunit
IbAGPb3, complete cds

TACAATTCGGTAGCGGGGTCACCTTAGGAGATGGTTTCGTTGAGGTTCTAGCAGCCACTCAAACCTCCAGGAG
AAGCCGGGAAGCAGTGTTTCAGGGGACCGCCGATGCCGTACGAC

>trans_s_9154 Novel Gene

CATAAACTTTGGACTTAATAACAACCTCACATGGTCACACTACATCATTGCAATACTATATTATTTGGCTTCCCTC
TTTCATTGTTGCTTACGAAGCTCTGTTTTACGGTAACTACAAA

>trans_s_9155 NM_001061458|Oryza sativa Japonica Group Os05g0213500 (Os05g0213500)
mRNA, complete cds

CTAAGGATATGTTTATCATCATCAAGAAAGTTCCAACCTTTCGGTGCTTGTGGTGGCTGGGAGTCCAGACTTGA
CATCAACTTCTCTAAGACTCCCAATTCCAAGGCTATTTCTCTCA

>trans_s_9156 AC068654|Genomic Sequence For Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar
Nipponbare Clone OSJNBa0015O22 From Chromosome 10, complete sequence

CATGGCCTTCTTCATTTTCGGGATAAGGATATTTTTTGGTACCTATTTAGGTTCGCTGAGAAAGAATTTAGGTT
TGCTAGAAAAGCATCCGCAAACACCCCAAGGAACTTAAGCCTT

>trans_s_9157 Novel Gene

CGACCTGCACGAATGGCGTAACGATCTCCCCGCTGTCTCCAGCATCGGCTCAGTGAAATTGAATTCCCCGTGA
AGATGCGGGGTTCTGCGGTCAGACGGAAAGACCCCGTGACAAGG

>trans_s_9158 GQ177612|Arabidopsis thaliana ecotype Wa-1 PHYA gene, complete sequence

TTAAATCCCCCGGGGGCTGTTCCAAGCAGATCCCCCGAGCTTTCTGTATATTACTAATGAACCTCGTAAAATG
ACACCATATGCTTCATTATCCCTCTCCAATCTACAGACTCTGGA

>trans_s_9159 XM_002884166|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AtRPN1a/RPN1A, mRNA

GATCTGTCGGAGGAGGATCTGGCCTTGAAGCAACAGTTGGAGTTGTACGTGGAGAGAGTTCAAGACCCCGAT
CCTGGGTTGCAGAAAGTTGCCCTTGAGAGTATGAGGCAGGGGGCTT

>trans_s_9160 XM_002864755|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

AATAACATTGTAAGAGAGAGGGAAGGAAAGAAACCACTTCTAACAGGAGAGACACTTGTGAGTCTGAAAGA
TGGGATTGGTTTGGTAGGTGAGATTTCTTCAAATCACCGGACCTAG

>trans_s_9161 NM_001071516|Oryza sativa Japonica Group Os10g0500600 (Os10g0500600)
mRNA, complete cds

AACAGAAGATACTTACCATAAAGATGTAGCAACACTTCTGAACATGAAAAGTGGAAAGACTTGCCTGCAGTAG
TCGAAATGTTAATGGGGTAGTGTCAGTTCTTTCTTTTATAGGATT

>trans_s_9162 GQ385964|Cucumis sativus cation exchanger 2 (CAX2) mRNA, complete cds

TTGGTCGCTACGCAAAACGGGATCACAAACATGGATATTTGTGTAGATGATCCAATAGCAACTCCAAGAGTGA
TGTCAGCTTATCCTTCATGGCAAACATGATTGCACTTGCATGTT

>trans_s_9163 NM_112535|Arabidopsis thaliana ATTOC120; GTP binding (TOC120) mRNA,
complete cds

TTGTGACTGGGGGAGCAATGACCGGTAGGGGAGATGTAGCTTATGGTGGCAGCCTGGAGGCTCAATTGAGA
GATAAAGACTATCCTTTGGGTCGTTCACTTTCAACTCTTGGGCTCTC

>trans_s_9164 HM211401|Citrus clementina fructokinase-like protein 1 mRNA, complete cds

GGAAAGTAGGGAAGGACGATTTTGGGGACGAACTCGTGTTGATGATGAACAAAGAGAAGGTACAGACTCGA
GCTGTGAAGTTCGATTGAATTCTAAACTGCCTGTACTTACATGAA

>trans_s_9165 AY103979|Zea mays PCO072809 mRNA sequence

GAGGTTGAAACGCCAATGATGAACATGATTGCTGGAGGAGCCGCAGCCCGTCCCTTTGTGACCTTCCACAATG
ATCTTAACATGAAATTGTTTATGCGCATTGCACCTGAACTCTATC

>trans_s_9166 AY353089|Populus x canescens adenosine 5' phosphosulfate reductase mRNA,
complete cds

GACCCGGGAGCATAAACGAGTCAACATCTCTTCTCAGACGGGTACTTGATCGGCCGAGAGGAATGTTTAG
GGAAGAAGAGTATGGTGGGGAAGCTACCTAGCTGCAACTCCTGCTG

>trans_s_9167 XM_002871645|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata structural maintenance of
chromosomes family protein, mRNA

ATACTGAGGAGCAGTAGTCAGCATGAGTCCGATTAGACACATTAACCTCTAGCAACACTGGACCATACACCTC
CTTCTTGAACATCATGGCGATGTTCTTCTTGCTAGACATAAGTCTC

>trans_s_9168 NM_116012|Arabidopsis thaliana LHCA2; chlorophyll binding (LHCA2) mRNA,
complete cds

AACACATTTACACGGGCACCGGTCCCATGATAACCTTTTCGCTCACCTTGCCGATCCCGGCCACGCCACCGTC
TTCGCCGCATTCACACCAAAGTGAAGAAATTGGGGAGCAAATAG

>trans_s_9169 Novel Gene

GAATTGCTTTCTCTTTTCCCCGCTTTTCCTCTTAATCTTTATTTGGAGAGACGAACACACAATCCATCATCTAAT
CAATAGTTTAGGAACATTTTTTAAAAAACTTTCTGTAACAGG

>trans_s_9170 NM_128762|Arabidopsis thaliana GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family
protein (AT2G32020) mRNA, complete cds

CATGGAACCTCACTCTCCGCCCACTAGATCTCACCGACATCGACGACTTCATGGGCTGGGCAGCCGACGAGAAA
GCCGCTCGATACTGCTCCTGGGAGCCCCGTTGAACACCCGACGAA

>trans_s_9171 Novel Gene

AGTGTCCGCTAGATTACGAACTTCAGTTTTAGTTAACCTAAGGTGGTATGTATAGTCCAACCTGTCTAGCCCAA
TATAAAATTTTCAGGAGGAAAAAGGAAAGAAGTAAAGATAGATT

>trans_s_9172 CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

CAACTCGATGCAATTACCTCGGGTCCCGATGGTCGATCAATCAGTTTCAGTGGCTCCAACACCAAACCAACCTA
TGATGTGCCAACCGCAAATGTTCAACCCGATGAATTATCAAAAT

>trans_s_9173 Z30330|S.oleracea mRNA for protein kinase

GGACGTGTCACATTTTGTCCAGAAGAAGATTGTCAGGTTTTATATCCCTGTGAATATAGTTGTGTCTATGGAT
GGATTCTATTGCTAGAACACTTTGTGCAATGTAAAATTTAGCTA

>trans_s_9174 NM_180572|Arabidopsis thaliana RPS1 (RIBOSOMAL PROTEIN S1); RNA binding /
structural constituent of ribosome (RPS1) mRNA, complete cds

AAACACGTAGAAGAAGCAGGAATATTCCTGGCTTGAGAGAGGAGTTTGTATTATTGGTGAGAATGAATCT
GATGATAGCTTGATTTTGAGCTTGAGATCCATTCAATATGACCTGG

>trans_s_9175 AB218716|Prunus mume Pm3 mRNA for aquaporin, complete cds

CCTAGTTCTCTTCAGAGGATGGGTTCTGATAGTTCATCACTACTGCAGTTTGGAGTTGGCAATCAAGGACTGC
GTGCTGGATCTTCTGACACCATTGGGACCTCTAATGAAACTTTGA

>trans_s_9176 CP001574|Micromonas sp. RCC299 chromosome 1, complete sequence

TGAATTGGGTTACAAAACAGAGATTCTGCCAGAGACGCGAAGTCGATCCCCCTTCTGAAGGTAACCAGGCC
AGCATTTCAAACCCGAAGCAGTTATTTGTTCTGCAACAGACTC

>trans_s_9177 GQ377424|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription
factor 4 mRNA, complete cds

ATCGATGCGGAGCTTCTCACCGGAATATGGGGTTGTTCAAAACCAGAGCCAAAACAACAGCAGCGGGGAGTT
GCAGTCTGATTATGGCAACAATTACCCTCAACAATCTCAGACGGTG

>trans_s_9178 EU146241|Secale cereale ALMT1-1135.1 mRNA, complete cds

TTTTCTTTAAACCTTAAGAATCAAGTTATCGTCTTCCATGAGATCCATCCGCGTGCTTGATCTGCTCCAAGAAC
CATAAGAATCCATATCTCTCATCACTAGATCCTTCAATGCTCT

>trans_s_9179 AF216497|Gossypium hirsutum P-glycoprotein (CMDR1) mRNA, complete cds

TACCATCCCTCAGAGAGCCCAGATCCCAGTTTTTTAATATCTTTTCCATCAATCATCACCTTCCCAGCAATTGGA
TCGTAAATCGCAGTATAAGAGCTAGAACCGAGCTTTTCTCTG

>trans_s_9180 DQ008613|Mahonia bealei 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAGATATGATGAGCAACATTGGTCCGTGTTTCTGAATTAACCGTGACTGAAACTCCATATTAGCACCGGAGC
ATCTCATAACCGCATCAGGTCTCCAAGGTGAACAGCCTCTGGTCG

>trans_s_9181 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GGGGCTGTAGTATGTTCCAAGGGTTGGGCTGTTGCGCCATCGGGATAACGTACATCGACCCAAGTCTTGATA
CAGAGTGACCTAACTGCGCTTATGTGTTTATGGCTCTACGGTCT

>trans_s_9182 EF543155|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D alpha (PLDa2) mRNA,
complete cds

CTTGGGTGATGCCACACCCATTTTGAGACGATTTGGAAGGTTTGATAGGGAAATAGATATTGGGGTTCCTGAT
GAAGTTGGGCGTCTGGAAGTTCTACGAATTCATACCAAAAACATG

>trans_s_9183 Novel Gene

CCGCGAACCCCTTGAGATTCGTGTATATCAATGCAAGGACCTCGTTGAGAAAAGAATTTTGTTGCGTATGGCTT
AATAGGTAAGATATGATATGAGACTTTTCATAATCCAGCGCACGG

>trans_s_9184 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

TGGGAGCGAACTCCAGGCGAATATGAAGCGCATGGATACAAGTTATGCCTTGCTTACTTTCTGTTAAGGCTTA
AAGGAAACAGATGCTTGTTCTTCGATATTCATTACGTTGATACT

>trans_s_9185 AY103886|Zea mays PCO129988 mRNA sequence

ACCCACATCACGCGCACACGGTGAGGTCTCACTCAAGAAATGGTGTGAGTTGTTGAGGCGGATCGCTCTTTCA
TAAATGACGTTATTAGCAAATTGAAGGACCCACAGGCCGATGCCA

>trans_s_9186 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

AAATAGTTGATGGTTATTTCTAAATTCCATCTCTACTACAGAACCGGACATGAGAGTTTCTTCTCATCCAGCTCC
TCGCGAATGAAACGATTCAAAAAATATACATGTATTTACTGA

>trans_s_9187 Novel Gene

GGGCTGAGGCAGGTGAGGCTGAGGGGAGGATCACACAGAGATCGAGGGCTCAGGATAGCCGTAAGCTTTC
GTGTAGTGGGGTACTATGAAACCATTGGAATTTGGTTGTAGAGGGCT

>trans_s_9188 AY105631|Zea mays PCO101908 mRNA sequence

GATGCACAATAAGGTACTTTCCGTTGTTGGACTTCTCCAAGATGAGGTTGATCCAATGGTGTCTGTGATGAAA
GTTGAGAAGGCCCTTTAGAGTCATATGCTGATATAGGTGCCAAC

>trans_s_9189 GU320195|Nicotiana tabacum cultivar Turk ankyrin repeat-containing protein
mRNA, complete cds

AGATCCTTCTTGAAGCTGGAGTGAAGGTGGATGCACTGGATAAGAATAAGAATACTGCACTTCATTATGCAGC
TGGTTATGGCAGAATCCTCACACAACGTGATAACGAACTAGGTGG

>trans_s_9190 HQ221572|Petunia x hybrida cultivar W115 ubiquitin-conjugating enzyme (ubc2-1)
mRNA, complete cds

AAAATATGATGTAGCAGCTATACTCACTTCTATTTCAGTCGCTTCTGTGCGATCCCAATCCAACTCTCCTGCAAA
TTCTGAAGCAGCTAGGATGTTTAGCGAGATATTCGCGCTCATG

>trans_s_9191 AF036489|Ephedra distachya large subunit 26S ribosomal RNA gene, partial
sequence

AGTATTTGCTACTACCAAGATCTGCACTAGAGGCCGTTCTACCCGGGGTCACCCCCAAGGCTTCGTCACG
GGCCTCCACGCTGCCTACTCGCTAGGGCATCGTTTCTACCTAG

>trans_s_9192 FN563107|Silene nocteolens microsatellite DNA, locus SN-2

CCCTCACCCATCCTGAAAAACAAACAATGATTACAAATAATGAAAGGAAAAGAATTGAGTGTGTGTGTGTGT
TTAGTTTCTGTACAGTTTCAAGGAGACTGAGAAAGGAAAAACAGA

>trans_s_9193 DQ822990|Glycine max MYB transcription factor MYB150 (MYB150) mRNA, complete cds

AAGGCGAGCAGAGCAGAACAGATGTGACTCATTAAACATTGATAGTGACAATGATGAGTGGCCAGGATCTGATGATTATGGTGATAATGAACCTGGAATGACAGTTCTCAGCAGTGAC

>trans_s_9194 AF036386|Brassica rapa cytochrome c oxidase subunit II (cox2) gene, complete cds

TGGGCTGTACCTTCCTTAGGGTGCAAATGTGATGCTGTACCTGGTCGTTTAAATCAGATCTCCATTTTGGTACACGAGAAGGAGTTTACTATGGTCAGTGCAGTGAGATTTGTGGAA

>trans_s_9195 BT025782|Arabidopsis thaliana At1g51100 mRNA, complete cds

CCAATTTGTTATATAACTCAAAAAGAATTAGCAACAAGTATAGCTTGTCTACACCTTGCTTTAGCCTGACCAAGGCGTTTCGCTCAATGTCTCATCCTTCACAGCCGCTTCACCATAG

>trans_s_9196 AY045622|Arabidopsis thaliana At1g59710/T30E16_31 mRNA, complete cds

GGAAGACGAGTCATCAGCGATAAATACTTCTGTGGTGGCTTCGCAGTCTGATCGTTTTAGCATTGCGAAACAAATCCATAACAGTCGAGCTATGATGAATCTGGAAGAAATTGGGA

>trans_s_9197 Z11883|S.tuberosum U1snRNA variant genes U1-1, U1-2, U1-3, U1-4, U1-5 and U1-6

AATTGTTGAGAGATCCTCTTTTCCGAGTATATGTTTCTCAAAGTGCAAGGGAAGTCACGATGTCTAGGCCATGGCTATTCTGATCGGCCATCGACCCCGTCCAGGTATGTGTTAAG

>trans_s_9198 GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

GAACGAACGTTGTAGAATAGATCCGAATAATGTATCCCCGGCACCAACGACATGGAGAAAGCCAACATCTCATCTCCGCAAAGAAATTATCAATATTCTTATTCAACACCAATCTCC

>trans_s_9199 AF061515|Spinacia oleracea ferroxin-dependent glutamate synthase precursor, mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

AAGTAGTTAAAGAAGAGAATGTGGACGACATTGAACGAGAACTTTACATTTGTAGGAAATTGATTGAAAGAGAAGCAAACCTAAGAGTTGGGGAAGTGAGCTATATTTCTGTTCTTT

>trans_s_9200 EU447235|Oenothera elata subsp. hookeri triosephosphatisomerase gene, partial cds

CTCCAGTAAACGCACCACCTTTGCGAACCCAACAGTTCTGTGCTGCAACTTGAATATCAGACCTCAACAAACTCTTACCAGCGAAAGAAACACAAAAGGAGGACTCACAACAACCTTC

>trans_s_9201 AY111312|Zea mays CL3400_1 mRNA sequence

TTTCCTCGTGGTTCCGACCGAGAATATTTTTTCAGGAAACATTTGAACTAAGACATAATCCATTTTGTAGTGGTTGTCAGTCATAGGCCTACCTATCGGGTATTATTGGGCCTAAGGG

>trans_s_9202 AF137583|Physaria didymocarpa var. didymocarpa internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA, complete sequence; internal transcribed spacer 2, partial sequence

CGTCCTTTGTGCCTGAAGGTACGTGCAGTTACCACATAAACCACACGTCAAACCCAGGCAAGAAGGCAGTATT
AAGTGATTTTCGTAGGAGAGGAACGGTTCACACTCTTACCAACAGC

>trans_s_9203 AJ132257|*Apium graveolens* mRNA for NADP-dependent malate dehydrogenase
(decarboxylating)

GAACTTCAGGAAAGAAATGAAAGGCTCTTTTACAACTTCTTATTGACAATGTCGAAGAACTGCTTCCTGTTGT
CTACACTCCCACAGTTGGTGAAGCGTGTGAGAGACGTAAGGAT

>trans_s_9204 AB110011|*Phaseolus vulgaris* pvgbss1b mRNA for granule-bound starch synthase 1b,
complete cds

ACTGGTGGGCTTGGTGATGTTCTTGGAGGATTGCCTCCAGCATTGGCTGCTAGAGGGCATCGTGTGTCATGACG
ATAGCTCCTCGCTATGATCAGTACAAAGATGCTTGGGACACAGGC

>trans_s_9205 AL161576|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 72

TTAAGAGAGAGACAATCTAAGCATCAGAGACTTAAATACCAAAGTAATCACGAAATATATCGATCATTTTGT
GCAGTTAATTTCTCATCCTCTGCAGTTCAAGTCTACCGGTCTG

>trans_s_9206 Novel Gene

GAAAATGGTTTGGAGAAGATTGATGGAAAACCGAAGTCGACAGGGTAATCGATAACATCATAATTGGACTAC
TCTTCTGCAGTTATATTGCTAACTCAGCAGCAACTTCCATAGAAC

>trans_s_9207 Novel Gene

ATATGTAGTCTTGAGCTTGTTACTCTTGGACTGTTCCCCGAGGCTGTTGAGGTTTCTGTGCGAAAACAATGTTG
ATCCTTAGTTGGTTTCAAATTCTCGTCTTGGTATTTTTGTCT

>trans_s_9208 GU109043|*Helianthus petiolaris* isolate 46cpec8 retrotransposon Ty1/copia-like,
partial sequence

GACGCTGAAATTAACGGTCTCTCAGATTTTCCCTCATCTCCTTTAGCGCTTTCATCCAGCAATCGCGGCCGTG
GAACAATAACCTTCCCGATCTTCTTATCGCCAAAACCTCCGATC

>trans_s_9209 GQ998741|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 NADH-
plastoquinone oxidoreductase subunit I protein (ndhI) gene, complete cds; chloroplast

GGAAATTGGAAACGGATATTCGAAAGAAACGATTGCTTACGGCACTGCGGTCGGGATTTGAGTGCGCGGG
GTGTTGCCAGTGTGGTCCGCGGTGAACCAACCGTGGGGTTTGGCAC

>trans_s_9210 Novel Gene

AATCTCCCGGATCAGAAATCTCAGAGGGGAAAGCCGATACCGATCTACGATCTACTCGGATCTACCACGAACTA
AGAGAAAGCCCACTCGAGGCCGAGAGTAGCAGCGCTCTCGAGGA

>trans_s_9211 Novel Gene

TCATACTCGGAGGATCTCCGACCCGTAATACAAGTCTATACACTGAGGGAGCATCAAGAGTGTTATAAAAAAG
ATTAAAGATACTCTAACCTATCAACTTAAGATTATGCGTTCACT

>trans_s_9212 FJ590953|Dimocarpus longan cell division cycle protein gene, complete cds

GAGATCTTTTTATTGGGTTCTAAGGCATGGCGAATCAACCTGAATCCTCCGACTCCAAGGGTCCCAAGAGGG
ATTTTAGTACCGCGATCTCGAGGTATCTAGGGATCAACAACCCC

>trans_s_9213 NM_001071516|Oryza sativa Japonica Group Os10g0500600 (Os10g0500600)
mRNA, complete cds

ACTCTATTAGGACCAAATCCGTGGCCTTCGATGATGGTGTCTTTCTTCCATAAGCCGGTTGAAGGAGATAG
CCAGGTTGGGATGTCAAACCTACCCACGAGTGTGAACCCTGTG

>trans_s_9214 XM_002894191|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytosolic tRNA-Ala synthetase,
mRNA

GATATGGAATCTCGTTTTTATTCAGTTTAACAGGGAAAATGATGGCTCCCTGAAACCTCTCCCTGCCAAGCATG
TTGATACTGGTATGGGATTTGAAAGGCTGACTTCGGTGCTTCA

>trans_s_9215 EF095236|Jatropha curcas carboxyltransferase alpha subunit mRNA, partial cds

GGAAGGCTTTACGGATGATGAAATATGCCGATCATCATGGTTTGCCTATTCTTACTTTTGTGACACACCTGGG
GCATTTGCTGATCTAAAGCTCAGAAGGAGGTGTGTTTGTGAGC

>trans_s_9216 Novel Gene

GAGAGAGAAAGAGAGATCTCATTCGTACATATTACACGTTGTTAATAACTGTTATTATGTAATCACTCTAAAAAC
GTGTCTTTAGAAGTAGTTGATTAAAACAAAGTAACAGCGCCGG

>trans_s_9217 XM_002332645|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP82C9v1), mRNA

TATAACTATGCCATGTTTGGTGTTAGCCCATATGGTTCTCATTGGAGGCATATTCGTAAAATAGTCATGCTCGA
ACTTCTTGCTAACACCGTATGAACAGGCTACAACACATTCCG

>trans_s_9218 XM_002883947|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TTTTATAAGTCAATAAAATCTATAAAAGAGTCTAACTTGATTCAAACCCAGAAGTTATCGTCCTGGAATCAGCT
GGGAAATCTGCAAGTCCCCCAGAAACGAGCTCAAAGTCTAGAA

>trans_s_9219 Novel Gene

ATCACAAAGCACTGGGTACGTAGCCATCCCCTCGCAAGGCGGATAGAGTTCAGAAAGACTCGTCGCTTGATA
GGGTTGTGATCAAGGGAAGCCCGAACCGTAGATGCTGCGGACCCT

>trans_s_9220 EU002542|Stachyurus praecox RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

TTGTACGTAGAACCGATTGTGGAACCATCCGAGGGATTTAGTGAGTCCTGGAAATAGGATGATTCCGGAAA
GAATTTTTATCCAAACATTAATTGGTCGTGTTACGTTAAGTTCAA

>trans_s_9221 EF108763|Triticum aestivum strain CRB-INRA-CFD-15658 Bp2A protein (Bp2A) gene,
partial cds

TGGAAGCTGTCAAGACATTAAGAGCGGAACCCAAAGCAAATGATCAATATCTACCTCCATTGTCATAGTTGA
TGATAGTGGGAAGTCTGTAGGTCCAATCACCAGCAACAGCACTC

>trans_s_9222 EU017084|Passiflora biflora ribosomal protein S3 (rps3) gene, partial cds;
chloroplast

ATCACCCAGGTTCTGGGTCCATAGTTGGATGGTCCTCATCTGGTCTTTTACCCGATTCTGACACCAGTAACCCCTT
CATCTGCCTGCTCCTTGTCTTAGGAGGGTCAAAAGGTGCACA

>trans_s_9223 AY060589|Arabidopsis thaliana AT5g63120/MDC12_8 mRNA, complete cds

TCCCTGCAAAGTTAAGATGTGAAAGATATAAAATGTGTGATCAACTATGATTTTCCATCAAGCCTCGAGGACT
ACGTCCACAGGATAGGGCGAACGGGTCGTGCTGGTGCTAAGGGA

>trans_s_9224 XM_002887189|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GGTTTGCTTTCTATGTCTTCTTGCTCCTTTGTTGGGAAGAAGATTTTTCAGTATGTTATGATTGGCATTATAC
TCCTCTTATTACATCTGTGTTCCGGCCTATATATCTGGTGTG

>trans_s_9225 NM_001059754|Oryza sativa Japonica Group Os04g0499300 (Os04g0499300)
mRNA, complete cds

CGAGCAGGAAATGGAAAGAAGAGATAAAGAAAGAATGGTTAAGCTTCGAACTCTAGGAAACATTCGCCTGAT
AGGTGAGCTTCTAAACAGAAGATGGTACCTGAAAAGATTGTTCA

>trans_s_9226 NM_001049137|Oryza sativa Japonica Group Os01g0252100 (Os01g0252100)
mRNA, complete cds

CATACATTCATAATAGTATTGGAGTATGCCACAGAGACATAAAGCCTCAAACTTGCTGGTTAATCCACACACC
CACCAACTCAAGCTTTGTGGGAAACCGTCATACAAAGTGGGTT

>trans_s_9227 EU161327|Ophioglossum thermale 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTCTCGAGGAGAGAGACACAACCTTTTTTTAGAGGAGATCAGATTTATATTCACAATCATATTCATAATATCTTC
ACAGATGTGCCGCCCCAGCCAACTCCCCACCTGACAATGTCT

>trans_s_9228 X68449|L.esculentum U6 snRNA pseudogene (LeU6.1ps)

AGTTGCGACTACCCCATTTTCTCAATTTATCCACAATGTCAAGCCGGAGCTTATGGTTTATGCGTCGTAAAT
GTGCTTCTTCAAACGGGAAGGGGCCTAATTTACCAAGCGGGTT

>trans_s_9229 GQ144955|Solanum lycopersicum cultivar Micro-Tom EIN3-binding F-box protein 1
(EBF1) mRNA, complete cds

CAAATCCCAAGGACTCCAGTTTATTCTTGTCCTTCCTCACCACGTTGATGTCTATTTTCCTCCTCGAAAGAGGT
CTCGCATCACTGCTCCATTTGTGTTTGGTGGAGTTCCCAAAA

>trans_s_9230 AC068654|Genomic Sequence For Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar
Nipponbare Clone OSJNBa0015O22 From Chromosome 10, complete sequence

AATCCCACCTTGCCAGCTTTTTTACTTACACTACCAGACTTGGATCATCTTCGCTCAACATTCACCCATGCCACC
ACCGTCTTTCTCCGTTTGGGGAGAGATGGCTGAGTGGACTA

>trans_s_9231 HM802936|Carica papaya cultivar Solo eukaryotic translation initiation factor 4G
(eIF4G) mRNA, complete cds

GAAGTGCACCAATAGCTTCTTTGAATGGATATAGTTCTGCATCAGAGCGTGCAACCTTAACTTCTAAGGAGGA
TCTAATTTCAAGACATATGCCGGAGAGATTTGCTTTGAACCAGG

>trans_s_9232 XM_002874478|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-
containing protein, mRNA

AGCAAAATTTCTTGCAATTTCTCTCGCCCGCTCATCAAAGACTTCTTGGGTGGCTTGAGAATAACAGGAATTGAT
GATATGGGTCCGGTTGTTACATTAGATTTTGAATTTATATGAT

>trans_s_9233 Novel Gene

AGAAGGGGTGCCTCCTCACTCCCTAGAAATCCCATGGAGAAGTAGAATTTGAGGAGGACGATTCGAGAGTAG
AAGATTGATTGTCAATTGAGCATCTGGTCATTCTTTGAGAAGCTT

>trans_s_9234 AY664417|Zea mays cultivar Mo17 locus 9002, complete sequence

TTTGTGCTCGGAAATGATGGGGTGTTACTTCAATATCTTGGATGAAGTGTGATTTTCTCGGTTACAGAATC
AGATTCTATCTATATATGATGCTTGCGATGGAAATTTGTACC

>trans_s_9235 AJ506156|Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

AGAAGGTCGTCAGGTCTGGCTGTCCATCATTACCGTCTCCTGACCCCTCACCAGAACTCGCTTCACAAGAACGT
CTGGGCTGGATCAGTGATCGATTTCTAGGTTTCGTCGTAAACC

>trans_s_9236 NM_102120|Arabidopsis thaliana MA3 domain-containing protein (AT1G22730)
mRNA, complete cds

ACAATTGAAATCTGAATGAAACATCGTCAAAGAGTAGCCAAAAGGACTTAACATCAATATAAAATGGTCTTGT
AGAAAGACAATGGATCGACTCAAATGGCAATTCCTGGGCCTGA

>trans_s_9237 AC225786|Oryza officinalis, complete sequence

ATCTCCAACTCGAGACCAAGACTTTTCCGCTAGATATTTCTTTCATAGTGCTGACTCTGCGACTAAGACTCTACG
TCGCATTCTTAATCTTGATGTTGACAATGAATGAACTTCAGG

>trans_s_9238 XM_002889227|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PDE318, mRNA

AGTTGACTGAACTTCTAGGAAAGTATGAAGAGGTCTTGAGAAAGGTTGATACTTTAAGGAAGAAAGTTGTAT
CGTTAGGGAAGGAGCATGCTGAGAGTGTGTACCCTGTTCCGTGTT

>trans_s_9239 NM_103601|Arabidopsis thaliana SBP1 (s-ribonuclease binding protein 1); protein
binding / zinc ion binding (SBP1) mRNA, complete cds

TGGCAGGCATTGTAACATGAACAAGAAGAAGAGATCGAAAATGGGTGGAAAGTGAGGAATTGAAAAGGGG
AAGTGAATCAGATTGTGTGAAATTGGAAATTGGGAGTATGAAGAAAG

>trans_s_9240 AJ277744|Fagus sylvatica mRNA for ABA and calcium induced protein phosphatase 2C (PP2C), (pp2C2 gene)

TCTTCAGGACTTTGGAGGTACCGTGCTGTACACACCAACAAATGTTCTCTGGGGCCAGACTCTTGTAAGCTCA
AACTGCCTGACTCAATCTGGCTTTGATCTTCAAGCAAATTGTT

>trans_s_9241 XM_002326701|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,
ABC transporter family, mRNA

CATGCTATTTTGAGGAACGAGATAGGATGGTTTGATGATATGAACAACACAAGTGCTATGCTTTCATCGCGTT
TAGAACTGATGCAACTTTATTACGAACGCGCGTTGTCGACATA

>trans_s_9242 AM411448|Solanum tuberosum subsp. tuberosum mRNA for Ran GTPase-activating
protein 2 (ranGAP2 gene), cultivar Desiree

CACATCATGCAGATCTCAAGGAGCTTTATTTGAGTTACCTGAACTTGAAGATGAAGGGGCAATTGCCATAGC
CAATATACTGAAGGACACTGCTCCTACACTGAAGTCTTGTCCT

>trans_s_9243 HM122539|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL9) mRNA,
complete cds

GTCATTTACGGATGGAACATCCAAAACAAAAGACCAGATGCACGAAAGTTCTGCAGCCGATGGACAACCAGA
GTAACAATTGATGGTTTGCCTCTTGTGTGATGATGAAGCAAGGGT

>trans_s_9244 AF234652|Mesembryanthemum crystallinum protein kinase MK5 mRNA, complete
cds

ATATAAAATCACAAATCAAAAACAAAAACAGGGAATGGATTCATAATAGTATCCATATGACTTGTAATAGA
ACTTATGTTTGATATAAATATTAGCGACACGAGAGAATATGGAA

>trans_s_9245 NM_001062919|Oryza sativa Japonica Group Os05g0573700 (Os05g0573700)
mRNA, complete cds

CATACAGTGCATCATATTACCCATGTATGGATATTCTCTATGAATGTTATGAAGATGTTGCCAGTGGAAGTGAG
ATCCGCAGTGTTGTGCTTGCTGGTCGACAGCAAATACTGGCAA

>trans_s_9246 X75898|S.oleracea pgm mRNA

AACCCAGACGGCATGTTCCCCAACCATCCCTAACCCAGAAGACAAAACCGCCATGTCACTCACTCGAGCCA
GCCTCCTCGACCACAACGCCGACCTCGGTGTCGTCTTTGACACA

>trans_s_9247 AF314800|Litchi chinensis chloroplast maturase K-like gene, complete sequence

GTGAATTACCCCTATCTGGTAGCGATAGCGAAGAGGCCACACCTGTTCCCATGCCGAACACAGAAGTTAAGCT
CTTCAGCGCCGATGGTAGTCGGGTAGATTTTACAGAGACGAAC

>trans_s_9248 EF524189|Descurainia sophia chloroplast delta-12 fatty acid desaturase mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CAAAAGAGGTGTTTGAGATCAATGATGTGAAAGCATGGAAATCTGTTTATAGTATCTGTAGCTTCTTACTCATT
GGCCTTGTCATGATTGCAAAAGCTCCATGGTATCTACTACCT

>trans_s_9249 Novel Gene

AATGTATAGGTAGTAGCTTTAGTGAAGTAGATATGATGATCCACAGGATCATGGGGATATGATAGTTTTCTAC
TTTCTGATCATTACTTTCTGATCATTGTGATATATATAACAGT

>trans_s_9250 Novel Gene

AGCTCTTCAGGATTATACTCCTTAGGCCATCCCTTATCGGATAGATAGTCGATCATCCGCTCGGTAAAGCTTTG
ATGAGAAAATGAGCTGGCCATATGAGAATGAGAACGAGTTATA

>trans_s_9251 AB002695|Cucurbita pepo mRNA for aspartic endopeptidase, complete cds

TTCCTGTCACACAGAAAGGCTATTGGCAGTTTGACATGGGCGATGTTCTCATAGATGGTGAACCAACTGGATA
TTGCGAAGGTGGCTGTTTCAGCAATTGCAGATTCTGGAACCTCAC

>trans_s_9252 NM_001064085|Oryza sativa Japonica Group Os06g0334300 (Os06g0334300)
mRNA, complete cds

ACTGGAGACAGTTGCTAGAGTGAACATGGGCAATCAAACCGTGCTCCGGATAATGATACTCTCTCGCGTCTT
TGGGTTGCAGATGGTCCATTTTTGATGCATAATGATCAGGTTGT

>trans_s_9253 BT011826|Arabidopsis thaliana At4g34320 mRNA sequence

CTGGCTGATGGAGTTGCGGTTGGGTCGTTGTCAATGGATGCACTCATGGAGGTCACTGACTTCTTACTGGAAA
TGAATGGAGATGCTGTCTTCTAATAGGAGCTTCTGGGAGTCCCCG

>trans_s_9254 GU556739|Polystachya paniculata Kew living coll. 1984-4977 phytochrome C (PhyC)
gene, exon 1 and partial cds

CGTCTGTGTACAATAAGCCGATGCTCTGGAGCGGGAAGGCAGGAAGGATGCAACGACACATGTGAGAGCTA
GGCCTGTGAACTGGTGCATCATCTTCTCAGCTCTTCTGATTTG

>trans_s_9255 Novel Gene

AATCGAAGATTAGAGAACAAGGATATGTTAAGAATACATACACTTATGCTTAGGTAAAAGGAAAAAGATGCA
TTGGTTAGAAGAGTATATGCTAATTGAAGAGCGCTTTTAGCCCCC

>trans_s_9256 NM_001061269|Oryza sativa Japonica Group Os05g0163200 (Os05g0163200)
mRNA, partial cds

AACCCCCAGCGGTTTTTCCACCATCCATTGTTTGTGTTCTCCAAGACTTTAGCATGATTTGTGAGATCCTGTG
GTGATAACTGAGGAAGCTCATTTGGCTGCGTGTGCATCCATC

>trans_s_9257 EU794382|Angiosperm environmental sample isolate TTGE gel band 2-J 16S
ribosomal RNA gene, partial sequence

GTTATAGTTTGTGTTGATGGTGTCTTCGGAATGACTGGGCGTAAAGGGCACGTGCTGGGGTGCGAACTACGTT
TTCTATCCATTCGGCTCGCAAAGTTGCTGAACATAATGCCCAT

>trans_s_9258 GU186914|Eryngium maritimum Rpl16 (rpl16) gene, exons 1, 2 and partial cds; and
Rps3 (rps3) gene, partial cds; chloroplast

TTTGATATTTGTAGACGAGCAATAATAAGCCCTTACTCATGAACACAAATGCAAAATAAGTTACTAGCTGGTT
CTTTACTGTTTAGTCAGAAAAAGCAAATTTAAAAACCGTGACA

>trans_s_9259 CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

AGAGGAGGAGAAGGAGGTGAAGCAAGCGGCTGGAGACGTTAGTTACTTGAAGGATATGCCGTTAACGCCGT
CGTCTTGGTCGATGGTTTGGTTTGGCCACAAACCAGGTGGGGTGT

>trans_s_9260 XM_003061542|Micromonas pusilla CCMP1545 lipase, mRNA

AGGGTCTCAAAGTGAAGTGGGCTACGCGTTTCTCCACCGCTGAGGAGAGACGAAGAGACTAATCAGACTAG
CTCCTCGGAAGCCTGTTGATAGGCCGAAGAGGGCTGTCGCGAGCC

>trans_s_9261 DQ490234|Capsicum annuum PIP1 (PIP1) gene, complete cds

GGAGCTTTGATGTGCTTGATTAGCACGGAGCTGCACTGATTGTCAGCAGGCTCATGCCTGTGATGCCTCCTAA
TACTCTCCTCTCCAAGTTGCTAAATCCACCAGTACCACTCATT

>trans_s_9262 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

ATCTCCTCGCTCCCCTTCCTCTGTGCAAGTGCAACATAAAGAGGTTTGCTCACAATCATTCTTCCATTCATCTCA
CCACAAGCCAGTTATCCCTGTGGTAACTTTTCTGACACCTCT

>trans_s_9263 NM_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

GCAACAAGAACTTGATGCTGCATACCAGGAAGCTCAAGAGAAGGCTGGTGGTTGTCCATTTTTCTTTCTTT
TCGGTCAATACCAGTGGGCACGGGTGGTTAAGGTACAGCGTGA

>trans_s_9264 GQ374243|Cucumis sativus pleiotropic drug resistance protein (PDR8) mRNA,
complete cds

AGGGATAAAACCAGAGGCAGAAGTGGACCTTTTCATGAAGGCAACCGCCATGGAAGGAGTAGAGAGCAGCC
TGATTACTGACTACACTCTCAAAATGAGGTTTAGGTACGCGTACC

>trans_s_9265 NM_001071137|Oryza sativa Japonica Group Os10g0415600 (Os10g0415600)
mRNA, complete cds

ACGCTGAAAACGAACTCTTTCCTGGCCTCTATTCACATGGTTTCCTGTCTAATCCATGGCTTTCCGATGGACACA
CTGTTATTACAACGTACGCGTTATGCATGGAATACGGTATG

>trans_s_9266 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

TTTGGGGGGAAGTTCAATTATGTAATGATAAACTAAAAAAGACTATTTACCAAAAATATATGATCCGTTGTT
GAGTGGTCCTTACCGGAGACGAATCAATTTAGTTTTATTATTCT

>trans_s_9267 X55830|Flaveria bidentis chloroplast rbcL gene for the rubisco large subunit (EC
4.1.1.39)

CCGCAGTAACCCGCACTATAATATGTATACTCTTTCATATGTATGGCGCAACCCAATGCTTTTTTCAAGTTTGTA
ATCTAATCTTTTGCCTCAGGATCTTGGTCCCCAGGGACAAGG

>trans_s_9268 AF002257|Glycine max 4-coumarate:CoA ligase isoenzyme 3 (Gm4CL-3) gene, complete cds

TAGCCGGCGAAACAGAGGCCAAGAATCTAACAATCCCTGTTATCGATCTACAAGACTCTCACAAAAACAGAGC
ACAGGCGGCGGGTAGGGCTGGGAGTATGCATGGACCGGTGGGAT

>trans_s_9269 XM_001703369|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CCCTTCCATCTTTCCTCGTCGCTTCCCATTCTTCATGCTTTTACCCTTCAAAGAAGAAACCCCATCTTCCCTCTGT
GGCTCAAACCTCCGACTGGGCTCAGAGGAGCAGTGTGCGA

>trans_s_9270 CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

TCTCCAGTTTCCATCCCGGCAATTCTCCACTACCACAGCAGCGGAAGTTACGATACTGCAGCCTCTCAGCACAG
GCTCTTTGTAGCTTGCAGGTTACCAACCTATTGTCACTGTGA

>trans_s_9271 NM_180601|Arabidopsis thaliana CER1 (ECERIFERUM 1); octadecanal decarbonylase (CER1) mRNA, complete cds

ACCAGGTATTCTCACAGATTGGCCATGGAAGCCACTTGGAAAGTACAAGTTTGTGATATTGACTCCATGGGTG
ATTCATAGCACTTCCTTGTACTTCAGAGAAGAAGAAATATAATT

>trans_s_9272 XM_002878457|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mediator of aba-regulated dormancy 1 (MARD1), mRNA

GAAAGAAGAAGAAGATGAACAACAATGACTTTCTTAGATTTTGTATACTTGCAAGAATGATCTTCAACTCACC
AATGATATCTATATTTACAGAGGTGAGGGGATCCAGCACAGAA

>trans_s_9273 Novel Gene

ACAAACACGGACAAATGTCCTGTAAGTGGCACCAGAACATTGTTTTGAACCTTTAATATTACCATTTGAATGTG
TTTGCTTGGTACATGATCTCTCCTATTGCACAGTTTTCTAATA

>trans_s_9274 GQ916670|Retama sphaerocarpa 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial sequence; chloroplast

AAAGAGCTGACAAAGTGAAAAGGATGGATATGAATATGTGGGATTTTCTCTACCCCTTCCGTTCTAAAAAAA
CAGGGGCACCTTGCCTGCTTGAACCGATAACCATCTTCGCTAA

>trans_s_9275 NM_001067548|Oryza sativa Japonica Group Os08g0154200 (Os08g0154200) mRNA, partial cds

GGAGGGCAGCAAAGAAAGCCCAAGCTAAAGAATATGGTTTTGAGGAGGACAAATCAGATTCAGAAGATGAA
GACGATGGTGTCCGGAAGGCAGGTGGTGATATCTCACAGCAGGCAG

>trans_s_9276 AY104581|Zea mays PCO117879 mRNA sequence

AAGGCAAACCGATGCGTTCAAGGGTTTACGGAAGCATCTTTGGAGGAACTCGAACAAACATTTCTGATGA
AGTTGAGTCTTACAGAGAAGCTCGTGCTGAGAGACGACGGCTTC

>trans_s_9277 GQ983788|Zabelia tyaihyoni RNA polymerase beta subunit-like (rpoC2) gene, partial sequence; chloroplast

AACGAGCGTATATGACTAATTCTTGGAATTCCTTGGGGATTTTGGATTGGTTCTGAACTAACGATAGTGCAAAGTCGTATCTCTTTGGTTAATAAGATCCAAAAGGTTTCTCGATCT

>trans_s_9278 GQ487332|Cucumis sativus metallothionein-like protein type 3 (MTP-3) mRNA, complete cds

GCAGACAAAAGAGACCATTAACAAGCTATTTGTTTTCCCTTCTCTTGCAACTTTTGTAGCTTCTTCACCATGTCGTCATGTGTACCACATAGTCACCTTAGTGGAGTTTGGCATAAC

>trans_s_9279 Novel Gene

GCAATACCGATTAATATTTTAAGGATAGATATTACCTCTCCTTTTCTCGTTCACTAAATTCATGGAAGTCGAAATCCGGATTCTCTGTGTGCCACCAAGTGTCGCCGATAGTTGA

>trans_s_9280 EU709762|Oryza sativa Japonica Group cultivar Zhonghua 15 calcium-dependent protein kinase 21 (CPK21) mRNA, complete cds

ACTTCATTAAGACTTTGATCACTATTATTTGCAAGTGCCTGCAAGGTCTGCTGTTCAGTTTAAACAGATGTACCGGAGTAGCCACTGAATGCAGCAGGATACTTGGATTGTAAAATG

>trans_s_9281 X73419|L.esculentum mRNA for ubiquitin conjugating enzyme E2

CTTCAAAACGTATTCTTAAAGAGCTCAAGGATTTACAGAAGGATCCTCTACGTCTTGCAAGTGCAGGCCAGTAGCTGAAGACATGTTCCATTGGCAAGCAACAACACGCAATTTCT

>trans_s_9282 NM_001187227|Oryza sativa Japonica Group Os04g0688000 (Os04g0688000) mRNA, complete cds

ATTGGCAGAGGAGAAAGAAGCAGAGCTGAGACAGAGAGTGCAAGAGCTAACCACAGTTTGTGATACTCTGAGGACTGGATTGGACTCGTTGGAGCGGCAAGTGAGGGAAGTTTTTCA

>trans_s_9283 GQ443301|Viola biflora disulfide isomerase-like protein mRNA, partial cds

TTTGCCAAGATAGAAGAAGAAGCTGGAAAGCTCAGTGGATCAGCTGCAAGGCACGGAAAGATATACGTGAAATCTGCTAAAAAATGCGCAAGAGGGAACACACTAATACTTTTCCAA

>trans_s_9284 NM_001186083|Oryza sativa Japonica Group Os02g0539500 (Os02g0539500) mRNA, complete cds

GAAGATCCGCCGAATTTTACCGGAAGACAAAAGCCTCCGACCTTGTCGAAGAGATTTAAGTCCAGATTTCCACTTGTGTCCGATCTCAGTGTGGCCTTGAGCCACCGCCACACTCG

>trans_s_9285 AB261674|Fuirena umbellata genes for 18S rRNA, ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 26S rRNA, partial and complete sequence, specimen_voucher: OKAY:Hirahara & Yano 19320

CCCCCTTATTTCCGCCCTTGTATTCCACTGATCAAGAGCTCTCTGTAATCGTCACTGCCTTGACCTCTGTCGTCCTGGCACTGCTTCGATCTCCATTACTCCATGGCCGATAA

>trans_s_9286 X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

AGTATATCCGGTGTGGGCGTTAGAGCATTGAGAGGACCTTTCCTAGTACTCTCAAACGAATGGCATCTTCTTC
TGGAAATCCTAGCTATCTCCGATGCAGCGCCAAAAGGCTCTGC

>trans_s_9287 Novel Gene

AATCTTAGGAAACGTCTGCTGAATTTATGCGCTGTCCATAAACAAGTGTAGACAAGTTGAGGTTTCAGATCCTT
ATGGATGTTGTCTATGCCTCACTCTACGGTGGGTTACACCCCC

>trans_s_9288 AY221086|Solanum tuberosum cellulose synthase (StCesA1) mRNA, partial cds

CATGGAAGGACAGAATGGAAGATTGGAAGAAGAAGCAAAATGATAAACTTCAAGTGGTGAAACACCCAGGG
GTTGATGATGATGGAATGATATACTGCTAGGACTAAACGGGTTGA

>trans_s_9289 AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

ATAAACCAACATGATTGCAAAATTGAATCTCCGGATCGCTCCTGCAAAGACCGCTGATCTGACAGTACTCTACC
CTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGC

>trans_s_9290 CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

CATCCCTTGAGTGGAAGTCTGTCATGTCAGTCTCCACCATGTCTTTTGCACTTCCAGTGACAGAGATGACTT
TTTTCTCCTAGTGCTACCATCTATCGAGGCACAGGTGTGGTG

>trans_s_9291 AF525938|Casuarina equisetifolia 23S ribosomal RNA and 4.5S ribosomal RNA
genes, complete sequence; chloroplast

CTTAGACCCTTCGGATAAACTTCGATCTCCACAGTCTTTTCAATGGTGTCCCGGAGAGAGGCTCGGTGAAATA
GACATGTCTGTGAAGATGCGGACTACCTGCACCTGGACAGAAAG

>trans_s_9292 XM_002892831|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata wus-interacting protein 1 (TPL),
mRNA

TTATGTTAGACAGTTGTTCAATTTCCCTAAAATTCTCAAGCGTCAATAGCTGAGTAATCTCCTTGAAAAGTTCTT
CATTAAACGTGGAAAAACCTTTCGGTTCATCCCGCATCGCC

>trans_s_9293 GU937873|Morus alba var. multicaulis cultivar Yu 71-1 chloroplast photosystem II-
like (psbR) mRNA, complete sequence

AGAAGAAGAAGTAGAAGAAGAAGAAGCTTATCGATCGGAAATGGCGGCCTCAGTGATGACCTCAGTGAGTC
TTAAACCAGCTCCCTTCACCGTCGAGAGCGATTATCTCTTGAGGAA

>trans_s_9294 Novel Gene

AAGAACGAACTTGAAAGCAACCCTACTTAAAGGAACCTACTAAAACGAAAAGGAAGAAAGCCTAGCGAACA
AGCCAGATCAATTATTCATTTGGCGGATAGGGCCTTCACTTTCCT

>trans_s_9295 Novel Gene

GGAAAATTTTGTAATGTAATTCATCTACAAAGATAAGACATTAATGATGAACCAAATCAAGTGGCCAATTACA
AACAAATACAAACAATAATGAGGAAAGGAAAACGATTCTATTTTT

>trans_s_9296 NM_115360|Arabidopsis thaliana RabGAP/TBC domain-containing protein
(AT3G55020) mRNA, complete cds

GAAGGTTTGCTGAGCAAGACTCTGCAGCACAAAGATATGCAGCTCAAATGCTTCAGGAAAAGTATGAACAAG
CTACTAGCGCACTTGCTGAAATGGAGAAGAGAGCAGAATATTATT

>trans_s_9297 AJ580822|Lotus corniculatus var. japonicus gene for coatomer alpha subunit-like
protein

TATGGAAACTGTTGCCTTGCTCAGCAAACATGTCATTATCATTGCTAGCAAGAAGCTTGTGCATCAGTGCACAC
TTCATGAGACAATCCGAGTTAAGGACAACACACAAAGTGTAGG

>trans_s_9298 DQ174255|Gossypium hirsutum translation elongation factor 1A-6 (EF1A6) mRNA,
complete cds

CGCAACCCCTCAAACGTGTTTTTGCAGGCTTGATCACTTATTTCTTCTTCACGGCGGACTTGGTGACCTTGG
CTCCTGTTGGGTCTTCTTCTCCACACTCTTGATAACACCAA

>trans_s_9299 NM_179714|Arabidopsis thaliana TET8 (TETRASPANIN8) (TET8) mRNA, complete cds

AGCACTCAGATTGTCTGGCAGAACCACACGCTACAGAATCGCGTCAGGAACAACAAAGATTGGAACAGAATCA
GAAGCTGTTTAGTCGACAATGGGGTCTGTGCCCTTAAACCAAAGA

>trans_s_9300 BT029737|Arabidopsis thaliana At5g17640 mRNA, complete cds

CTCAAGCTTCTATCTTGAAGAGTCCGATCTGAAAGCATTACTGGCACCTGGCTGCTTCTACAACACCCATGCCT
GTCTTGAAATATCTGTCTTCTCGGGAAGGAAGGGATCCCACTG

>trans_s_9301 XM_002878457|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mediator of aba-regulated
dormancy 1 (MARD1), mRNA

AGAAGAGGAGAGAAGATGAACAACAATGACTTTCTTAGATTTTGTATACTTGCAAGAATGATCTTCAACTCA
CCAATGATATCTATATTTACAGAGGTGAGCAAGATTCTTGTTCC

>trans_s_9302 AJ429694|Globularia cordifolia chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene
(partial) and tRNA-Met gene

ATCCCTGTCAGCCCCCGTAAGCATAAAGTGAGGGCTATAGCTCAGTTGGTAGAGCACCTCGTTTACACGCGCT
AAACTCGTAACCTAGACTTACGCGATTTCGTTGCGCCTTCTTTG

>trans_s_9303 AY787873|Zea mays zinc finger protein (znf1) mRNA, complete cds

TGGCTTCTTTGGCGACACAGCCACTATGAACATGTGCTCCAAGTGTGATAAAGATATGATGCTGAAACAAGAT
CAGGCTAAACTTGCTGCTTCATCTACCAGGTTTTTTTGACAACC

>trans_s_9304 NM_001056466|Oryza sativa Japonica Group Os03g0314100 (Os03g0314100)
mRNA, complete cds

GAAGAGAAAGGTCAGTTTATTTGATGTGGTGGATGAAACCTCGGTCTCCGCGAAGTTAAACAAAGTGAATGG
TGGAGTAGCCCCGTTGAACAATGGCGGTGGAAATATAAAAGGCCT

>trans_s_9305 DQ001734|*Dracaena sanderiana* voucher P.M. McNutt 011 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TAAGTGGAAACGCATTAGCTGTCCGCTCTCCGTTGGGCACATTCCCAGCCTCTTCCCGTTAGTGAGTAAGAATT
TTGGTCGTAAGAATTCTGCAGAGAGATTTTCGCATCGTAAGGG

>trans_s_9306 NM_001058592|*Oryza sativa* Japonica Group Os04g0118400 (Os04g0118400)
mRNA, complete cds

CGGAAGAGAACATGAGAGGCATCTGTTTTGAAGTTTGTGATGTGGTGCTTCACGCTGATGCCATCCACAGAG
GAGGTGGTCAAGTCATTCTACTGCGTCCCTTGCCAGATGTGAA

>trans_s_9307 AB297387|*Cucumis melo* var. *cantalupensis* ETR1 gene for ethylene receptor,
complete cds

TCCTGAGGATGCAGACGTCTGCCTACGAAGTACGTGTGACCAAGTTTCTTCTTGAGTACGAATGAGTCCCATT
CCCTATCCAATTCAGCAGAAGGTGTCTTCAAAAAGAGCTCTCT

>trans_s_9308 AB372509|*Ophiorrhiza liukuensis* Top1 mRNA for topoisomerase I, complete cds

GAGCCGGTCTTTGTAACAATCAGAGAACTTTGAAGGCATTGCACAACATGAGTTAGGCACATCATGTATTAC
CTCAAAAAAACCTCATCATTTTGGTAAACAGTCGCCCCGGGCCT

>trans_s_9309 NM_001056667|*Oryza sativa* Japonica Group Os03g0355200 (Os03g0355200)
mRNA, complete cds

CAAGTAAGGAAGGTTTCCAACCTTAAGGGACACACAGAGCGTGTTACTGATGTAATGTTTTCTCCAGTGAATG
AGTGTTTAGCAACTGCCTCTGCTGACCGAACCGACCTTGGTGTT

>trans_s_9310 AY147468|*Typha angustifolia* ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds;
ribosomal protein S7 (rps7) gene, complete cds; and NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) gene,
partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

TGCGGTCTATATTCCATTCCAAAAAGAGAAAGTTGAAACAAGTGGGATTTTTTTGGAGATTGGATGCAGTTA
CTAATTCATGATCTGGCATGTACACTTACTTTTGAAGTGTTCCC

>trans_s_9311 AF004166|*Lycopersicon pennellii* 2-isopropylmalate synthase (Ip-ipmsb) mRNA,
complete cds

CATATGCTGAAATGCTTATCAAGGATTTTGAAGAGAAACGCATAGAATGCCTTGAGATTAAGTCCGTTGAGA
AACTAAGGAGATTGAAAAGGTTTGTTCAGTTGAAGAACTTTT

>trans_s_9312 NM_001057614|*Oryza sativa* Japonica Group Os03g0717000 (Os03g0717000)
mRNA, partial cds

ATGCAAATCAACAAGGACTCCTTCCATAAGGCCATCGATCCAACCATCGATCTTACCGAAGAAACATTTGCCAG
CATCAACACCGTGGCGGAGTTGGCAGGTCATTGTTGTGCTAGG

>trans_s_9313 FJ648830|Camellia sinensis RD22-like protein mRNA, complete cds

ACTCAACATACACGTGTTTACAAGGTTAGTTTGTGGGTGTTGATGGAATAAGCTGATGTGGCAGCCGCAT
GTCACACCGACACGTCGGCTTGAATGGTTTCGTAAACCGAAAA

>trans_s_9314 AJ551251|Wurmbea variabilis chloroplast rps16 gene for ribosomal protein S16

CAAACCTCAGTCTTGAAGGGAGTCCCCCTCTCCGCTCATTCTACAGGCTCAGTCCCCACACTCTGACTGAAGG
GAAGAACCTCCGCACTCCAATGAACAAGAGTTCTCCGCCTTAC

>trans_s_9315 Novel Gene

CGATTTTTCTTGTCTAATAGAACAAAGACTAATACCTTAATTGAGTCAGTCAAGATCAAATCTGTTTATCAAAGT
GCTTCTCTGATTGCTCAAGACATCTCTTTTCAACTGAGAAAG

>trans_s_9316 XM_002889723|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MYB transcription factor, mRNA

CAAGCTGATTTGAGAAGGAATCTTAGCCTAGGATTAGGAAATCTCCACAGCCTAAGAATGAGTACCAGGTA
GTTATGCAACCAATTCCAGAAGACAAAGAAGAACCTGAGGAGATG

>trans_s_9317 Novel Gene

GGAGAAGGGGTGCCTCCCCAACGAAGAGGACGGTGAATCACGCGGTAGAGTTCCGATTGTTGATCTGAGTTC
ATCAGACGGTATGGTTACTCGCGACGGAACATCCGGTTGGGTATT

>trans_s_9318 XM_002890622|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase
family protein, mRNA

GAAGAGATGAAAAACAGCCTGTTGGAAGGAGACAAGTTTTGTGCAAACCTGATACGGGATGTGTCCTGGGAA
TGGAATTAGATCGTAATGACAATGCTCATACGGTGAACTGAGT

>trans_s_9319 AY093790|Arabidopsis thaliana At2g20670/F23N11.1 mRNA, complete cds

CGGGTGGTGATCGAGCTGAATTTTAGGGCAGAGTTCGAGATGGCGAGAGCAAATGAAGAATACAACAAATT
AATCCGGCGATTACCGGAGGTTTTTGTGGGGGGGCTTTCTCTGCC

>trans_s_9320 NM_105896|Arabidopsis thaliana P40; structural constituent of ribosome (P40)
mRNA, complete cds

TGGCTTTTGGCAAGGATGGTTTTGCAGATGCGTGGAACCTATTCGTGCAGGGCATCAATGGGATGTGATGGTG
GATTTGTTTTCTATCGGGAACCTGAGGAGCTCGGAAGATTCTC

>trans_s_9321 XM_001690957|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGATCCCTTATGAGAACAAAAGTGTGCCCCCGCCGCCCTTCTTGCCAACGCGTGTGGGCCGCTCCATTGCCC
TCCTCCCCCACTCTGCGCTGCGCGCGGGGCGCGGCAACGAC

>trans_s_9322 GQ464815|Bambusa oldhamii 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTTCGAGCTTGCTGGAAGTTGTAAACTTTCAACAACGGATCTCTTGGTTCTGGCATCGATGAAGAACGCAGC
GAAATGCGATACTTGGTGTGAATTGCAGGATCCCTATCCACTG

>trans_s_9323 DQ191635|Solanum tuberosum serine/threonine protein kinase SAPK8-like protein mRNA, complete cds

AGAGGTCATCTTGACCACTACCCATCTTGCAATTGTAATGGAATATGCTTCTGGAGGAGAGCTCTTTGAGCGT
ATAAGCAATGCAGGACGCTCTAGTCAAGAAAGATTCTATTTCT

>trans_s_9324 EF568775|Prunus persica alpha-L-arabinofuranosidase protein mRNA, complete cds

CCATTTCTAACTGCCAGTTGGAGAAATTCAAATAGCCAAGCCCATCATCAGTCCAGTACATCCAAACATCACC
AAAGTGTCAGGTCTCTGTTCCCATGGTCCAATGGTTTCTTT

>trans_s_9325 NM_180137|Arabidopsis thaliana SPL1 (SQUAMOSA PROMOTER BINDING PROTEIN-
LIKE 1); DNA binding / transcription factor (SPL1) mRNA, complete cds

CATGTTTTGCGAGCTCAGGTTCTCGATTGGTTATCGCACAGTCCCACAGAGATAGAGAGCTATATCAGGCCTG
GTTGTGTTATTTTAAACAATAAGTCCGTAATGAACAACCTGTAA

>trans_s_9326 Novel Gene

TTTGCATTTATTTAGTCCCAACCCTTATATTGATTTTGGATCCCGAACTTATCTACTTCGAGACCCTATCTTCAAC
TTTCAGAGGAAAACCTCGAACTGGGTGTGAACACTTGGATC

>trans_s_9327 GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

CAAGATTTGACTCACCAGAACTGCAACAGTTTCTCGTCGAACAGATGGCCTCTTCATTAACGAAAGATCCCAAT
TTCACGGCGGCCGAACCGGCACGCTAAAGCCCTTCCGGGGG

>trans_s_9328 AY095469|Tasmania insipida 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAATCAAAGATGATATAAACGGAAAAAAGACATGACATTTGATAAACCTACCAAACCCGACAAAAACCCCCAA
AAATTTTGGGTTTTTCCAAAAACACCTTGTTTACACCCAGCT

>trans_s_9329 Novel Gene

CCCTGCGGATGCTAACGCTAAGACAGATTAAGAGAGAGAAACAAAGAGATTAAGACAGATCGATTAGGAAAG
AGGTTAAGACAGCTAGATCGATTAGAGGGAGAACCGGAGTGATCG

>trans_s_9330 NM_001052210|Oryza sativa Japonica Group Os02g0115900 (Os02g0115900)
mRNA, complete cds

CGTTGAGATTGAATCCCTCTTCGATGGTACTGACTTCTCTGAGCCATTGACCAGAGCTCGTTTCGAGGAGTTGA
ACAATGACTTGTTTCAGAAAGACCATGGGACCAAGTAAGGAAG

>trans_s_9331 AY968423|Xerosicyos danguyi 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCTGCGCGCTCTGGCATCGGTTTTGAGAGTGATGAGAGAGCTTGAAGGGC
TGCTTTTCTGAGCTTGGTTTCTTTTAGATTCTCTCTTCTTGGT

>trans_s_9332 NM_001064393|Oryza sativa Japonica Group Os06g0557100 (Os06g0557100)
mRNA, complete cds

TACCGATCTTTCGCCAACACTGCTCTTGAAGTTGCTCGTAGCAGACCAGGAAGGACCTTTGGTGCAAGGTGGA
CCCCTGAGCTCCCTACCTTGTTAGACCCAGAAGAATCTCCTTG

>trans_s_9333 EU526584|Coffea canephora microsatellite CaM40 sequence

CAAATCACCATCTGCATAACAAAATGAACAAAACAGAGAGAACTCTTCCGTAAAATCTCTCAACCCAACCG
AACCATAAGCGTGAAACGTTATCCAACCAGCTGAATCTTCTTC

>trans_s_9334 HQ156465|Cucumis sativus cultivar zaoerN glyceraldehyde-3-phosphate
dehydrogenase mRNA, complete cds

AGGAGACTCAGAAAGGAATTGAAGGGAATTTTGGGGTACACTGAAGACGATGTCGTGTCATCTGACTTCGTG
GGTGACAGCAGGTCAAGCATCTTTGATGCCAAGGCCGGAATTGC

>trans_s_9335 CP001335|Micromonas sp. RCC299 chromosome 17, complete sequence

GCGTCTTTCATAAGATTTCCAAACCTCAGAGAGAGAACGCCCATAGATCTCCATACCTCGGAGAGAGAGAAAA
CGCCGATACATCAGAGGAAATACCATAAAAGTTTCTGTCCAGG

>trans_s_9336 AY346377|Nicotiana tabacum cultivar SR1 RSH2 mRNA, complete cds

GAGGACAACATTACGGAAGGTAAGTCTGAGTCATATGCGAAGGATTTGCTTCTAAGTGACAATCAAAGCAC
AGAATCTTTTGTGATGAGTTTGTGGTCAAGGCCCCCAAACAGGG

>trans_s_9337 AY793555|Lens culinaris lipid transfer protein 3 precursor, mRNA, complete cds

TGGAGGAGTGACGACAGAGGCAACCGTAACGTGCAACCAAGTGGTCTCCAGTTTGAGTCCATGTATTCCGTA
CGTGACGGGCGGAGGATCCCCGAGTTTAACTGTTGCAGGTTGT

>trans_s_9338 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

CTTTCAGTATTTTTACGGATGCGGGAGGAGGGCTATAGCTCAGTTGGTAGAGCACCTCGTTTACACGCGCTA
AACTCGTAACCTAGACTTACGCGATTCGTTGCGCCTTCTTTG

>trans_s_9339 AY792593|Cucumis sativus ethylene response factor 1 (ERF1) mRNA, complete cds

GAGGAAGCGGCGGCCGCCTGGATTTGGATCTCAACTTCCCCACCAGAATCCGCCTGAATTTTTTTTCCCTAA
GCGAAGATCGGCTGGGATTATCATAAGCCGAACCTTTGTCC

>trans_s_9340 EU162709|Allium bolanderi voucher NN72 external transcribed spacer external
transcribed spacer, partial sequence

GAGATCTAGAAGATGAAGGCGGTTTCATCTAGGTTTAGCTGCGGCTTTGCTTGTTCTTTGCCTTTCTTTTGTTC
GCTCCGAGACGATTACAGAGTCTCGAGGGGCATCTTCTAGATA

>trans_s_9341 NM_102794|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G30570) mRNA, complete cds

GGTTCATCAATGCTATTGAAATCGTTCCCCTGACGGATGAGATTTTTGGAGGTTCCATTGATAAGGTGGGTGG
AAGTGCTGTTACTTTGAATGTGAGTGAAAGGGGAACTGAACT

>trans_s_9342 NM_001059122|Oryza sativa Japonica Group Os04g0378200 (Os04g0378200)
mRNA, complete cds

GGGGAAATATGCCATTCATTTTCAGGCAGAAGAGATTGATATGGCAGCTTTAAGACAGATGGAAGACAAGGA
TCTTAAAGAGTTGGGGATACCGATGGGCCCAAGGAAAAAGGCCT

>trans_s_9343 FN599860|Camelina sativa 18S rRNA gene, ITS1, 5.8S rRNA gene, ITS2 and partial
25S rRNA gene, cultivar Calena

TTCAAAGAAAAGGAGGCGAATATGATATGCTTAACTCAGCGGGTAGTCCCGCCTGATCCGAGGTCAACCGA
CTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAAT

>trans_s_9344 Novel Gene

TGAGCCAAGGACGCTCCGCCTTATCTATATCAGCAGTCAACTGAGTTCTTCACGAATTAGCTCCTTGGAATGG
CTCAATCTATAGATAGAAAGCCTTATGATTTTCCAGCGACA

>trans_s_9345 FJ214107|Stevia rebaudiana 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase mRNA,
complete cds

AGGCTGATCGAGAGGAGTGTCCAATCGATGAAGGCAGTCGAAGTGACCATGACCATCTGATCTGGGAACTT
AAGCATCAAGCGGTTAGACATAAGTATTTATATAGCTCATAATT

>trans_s_9346 NM_001058495|Oryza sativa Japonica Group Os03g0858200 (Os03g0858200)
mRNA, complete cds

AACTCGTTGCAGCATAGTTTGTCTACACCAATGCAGGGTCCCTCCAGTGGATTTGTTTTCTTCAGAGCAGCA
ACAAGCACTGCGCATGATGGGTTTAATTCCGGAACCCAGGTG

>trans_s_9347 EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

GGAAACTGAACCAACTTTTTCTGGAGATATACATTTCTGGAGAGATGGATAAGATATCCCGACACAATGG
CATCTTGATACCACCAGACCTCTGCAAGGACTCAACTGTCAAG

>trans_s_9348 AB457583|Prunus persica mRNA for GDP-L-galactose:hexose-1-phosphate
guanylyltransferase, partial cds

AAAGGGAAGGACCTGAAAGTGCCCAACCTTGGTGAAGTTGAATTTGTTACCATCAAAGGGCTGGAGAACCTT
ATCAACGCGAAACTCGGTTGGCCTCTTCTGACTTGTCATCCCCT

>trans_s_9349 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete
cds

AGGCAAGAGCTGGAATTAGAGAAATTCACCTCTTCCCATTTAATCCTGTGGATAAGAGAACTGCTTTGACTTAC
ATTGATTCTAATGGAACTGGCACCCCATCCTGTTTTCCACA

>trans_s_9350 NM_102109|Arabidopsis thaliana ATSAC1 (suppressor of actin 1);
phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 5-phosphatase (ATSAC1) mRNA, complete cds

TGCTGAGACGTGCTAAAGCAAGTGC GGTTGGGTATTTGAACCAAATTCTTTCGGAGGAGAATCATCTTCAATT
TATCCACTGGGACTTTCATAAGTTTGAGGGAGATGGAGCTTAA

>trans_s_9351 XM_002863756|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

CTCGTGTAGTACGTGCTTTGGTACAAGTACGGCCAGCCGTGTAGTAGAGTTCGAGGCCCATGCCGTCGTGGAT
TTCATAATCCTTGAGAGTAATATGATCCTTGTAATATTGTAC

>trans_s_9352 Novel Gene

ATTGCTTCTAGGGTTTGACGTTTTCTTGGCTTTGGAGTTTTGTGGTTCTGGCTGAGTTATTTGAGGTGGAAC
TGGATAATACTTGGAAGTGAAGTAAATGGGTGTGAAGG

>trans_s_9353 NM_128372|Arabidopsis thaliana nodulin family protein (AT2G28120) mRNA,
complete cds

ATCGGACTCCTGCTTTAAAAACATGTTTAAACCTCCAAACAGAGGAGAAGACTACACTATCCACAAGCCATT
TCAGTATCGATATGATAATTCTTTTTATCGCCGTATAAACGT

>trans_s_9354 EF150644|Populus tremuloides plastid serine hydroxymethyltransferase (SHMT8)
mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

CTTGATGCCAAACCACTAGCCCCAGGATCAAAGCTCCAAGAGTTCCTCAAGTTTGTGACAACTTCTGATTTC
TTTAACCGATCGAGTATCAGATCTTCGCTCTAGAGATAGGAT

>trans_s_9355 XM_002889328|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing
protein, mRNA

AGCAAAAGGCTTTGGATATTAATGAGAGAGAACTGGACTTGACCACCCTGATACAATGAAAAGTTACGGAG
ATCTAGCTGTTTTCTACTATCGACTTCAACACACAGAACTGGCA

>trans_s_9356 XM_002321150|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb2
(Lhcb2-1), mRNA

TGAACTCCTTGCAAAGAATGGCGTCAAGTTCGGTGAATCAGTTTGGTTCAAGGCTGGTTCACAAATCTTTAGT
GAGGGTGGCCTAGACTATCTTGGAACCCAAGTCTTAAGACGG

>trans_s_9357 GU227355|Punica granatum RNA polymerase alpha subunit (rpoA) gene, complete
cds; chloroplast

TCCATAATAAAGACGCTTACTGTCTGCTCTTGATTCAACACACTTCCACTTTAGTGTCGAGTCGATACTCTGAT
CAAGAAAACAGCAGTAGCAGCTGCAACAGGAGCTGAATATG

>trans_s_9358 BT005851|Arabidopsis thaliana At2g25950 gene, complete cds

ACCGATGATAGATATGCTTTTGATTTTAACATCTGATGTAAATGGGATGAAAAGTAGCAGTTCAGGATCACCT
CGTTGCTTTCCAAGTGATCCCCAGATGAGTTTAACCGATGCT

>trans_s_9359 XM_002323999|Populus trichocarpa porin/voltage-dependent anion-selective
channel protein, mRNA

TACTCAGCTGAAGAACAAAAATATCACAAACCGATATCAAAGTCGACACAAGCTCCAATCTTGACAAACCATC
ACTGTGGATGAACCTGCTCCTGAGCTGAAGGCAATTTTATAGCT

>trans_s_9360 GQ163458|Thladiantha cordifolia voucher M:H. Schaefer 05/127 maturase K (matK)
gene, partial cds; chloroplast

TGGAAATATTACCTTGTCATTTATGGCAATGTCATTTTTATGTGTGGTCACAACCAGAAAGGATCTATATAAA
CCAATTATCCAAGCGTTCTCTTGACTTTTTGGGCTATATTTT

>trans_s_9361 DQ831136|Aegiceras corniculatum ubiquitin-protein ligase (UPL) mRNA, partial cds

TCAACTCATTGGTATATTCCGGTTCATTAGCAAAGAAGGCAACAAGTTCATCATGAGAGTCACCAGACTGAAC
AAGTACAATGAAGGCAAGAAGGCATATTCTGCTATACAGCCTG

>trans_s_9362 XM_002317903|Populus trichocarpa actin related protein (ARP901), mRNA

AATGACGCCATATGAACTTCCTGATGGCCAGACTATTGAGATTGGGGCCGATAGATTCAAGATTCCTGATGTT
CTATTTAACCCGTCCCTAGTGCAGTGATATGGACCCTACCTCT

>trans_s_9363 Novel Gene

CAACAACCATGTTGTGACCAGTATTCAAGCACTTCTACTTGTTGACTAGCCGTAGGTCTTCAAGTGAGGAAACC
CTTGCTACTGAGTTTTCCCGGTGTCCCGCGGTGGAGGGCC

>trans_s_9364 Novel Gene

CACCTCCCTCTGAGCACTCCATATTAGCAATCCCAAGAGTTGGGCGCTTCCTTGAAGCATCTTTTCCCGAACTTC
AGACCATTTCTCATCTTTGCAGTCGGAAGTTGACAAGAGTC

>trans_s_9365 Novel Gene

ATGACACAATACATCATACCAGCAGAAATCTCGCTAACAGCACTGTCCCAGTGCTCAAAACATAATGTGCGGT
GATCTTCAGCGTACGGTCCAGCTGAAACTGACCAGTAGTCATT

>trans_s_9366 NM_114254|Arabidopsis thaliana AtGH9A4 (Arabidopsis thaliana Glycosyl Hydrolase
9A4); catalytic/ hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds (AtGH9A4) mRNA, complete cds

GTTATTAACACTAATGGCCACTTCCCTCACTTGACTGCACATCATGAGTTGCTTCAAGTTCTTGGTGAAGTCTTG
GGCTTTTGAAATGCAATAGATCTTAGTGAAATCTTGGGTTA

>trans_s_9367 NM_125779|Arabidopsis thaliana RSW3 (RADIAL SWELLING 3); glucosidase/
hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds (RSW3) mRNA, complete cds

CAGTACACCAGTGTGACGGGGACTTCAGCAATGCCCCAGCTCTTTGCAACAGCATATCATCAATGTAGGTGGA
ATGCGCTTTCGTCTCTTCGTGGTATACGTGGTCGGACGGCGG

>trans_s_9368 GU108480|Polytomella sp. SAG 63-10 chromosome 1 mitochondrion, complete sequence

AGAAATTAGAGCCTGTGACAGTTGAAGCAGCGAGAGAACCATCCTTGGCGGAATGATGGGCCTTGGCGGAA
TGATGGGAATTGACGGAGTCCTGGGACATGGACTTCGAGTTTACC

>trans_s_9369 FJ898254|Aegilops speltoides var. ligustica isolate Sp9 puroindoline B (Pinb) gene, complete cds

CGGTCCAGAAAATGGAGGAATCAGCGAGATGGGAGGTGTTAGACGGATCGGTGGCGAAGGAAATCTCGCCG
GAGGATATGGCGGTGTCTGAGGAAGAAAAAAGATTGCTGCGGAGT

>trans_s_9370 GQ923778|Dimocarpus longan cultivar Honghezi auxin response factor mRNA, complete cds

CAACTGTACTTGGTGGGTGGAAACCTACAGTTGAATCTTCTGCTTTTTCATATACTGAGCCACAGCGCGCAAG
GGACCTATATTCATCACCAAAGTTCAGCACTGCTGCTTCAAAT

>trans_s_9371 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete sequence

TGAGGAGGTGGTGACCTTGGAAGGACCCCAAACGTCACTATGGATGAGGTTAAACGGTTGTGTAGGTTTATA
TGTTGTGAGGGAAAAGAGACCCGACACCACCCGACCCGCTATG

>trans_s_9372 AY127015|Arabidopsis thaliana AT5g13610/MSH12_7 mRNA, complete cds

TGACAAAACTACCATGAAACAGCAATCACTTCCGCTTATGCTGGCAGCATGTGTGTTACATTACAAAGATCC
CCGAAGTTAAGTACTACGTAATTCGTCATACGAGAAGATGGC

>trans_s_9373 NM_001065628|Oryza sativa Japonica Group Os07g0191200 (Os07g0191200) mRNA, complete cds

GTTTGAGGAGACCTCGGGTGCCCCTTTGCTGACTCTATGCATTTTACCTTCACCGTCTATATAAGTCAATGCAG
TCCGCTTATCAGTAGGGTTAAATGGAAGGAAGTGTACTTCTT

>trans_s_9374 AB204874|Phaseolus vulgaris Pvphot2 mRNA for phototropin, complete cds

AGTATTTTATTGGTGTTCAACTAGATGGAAGTGGCCACGTGGAACCTTTGCAAACCGTCTTTCTGAGACAGC
AGAGATGCAAAGTGCCAAGCTGGTTAAAGCCACTGCGGAGAAA

>trans_s_9375 GU183363|Leucaena leucocephala cinnamate 4-hydroxylase (C4H) mRNA, complete cds

TCTAGCGAAATAGTCTTTGAAGAGTTTCAGCCTCGTTTCCTTAACTTCCTTGCAGATTTTGAGATATCCTCTCAA
GAACGGCCTCAAGATCGGAATGAAATCGCCGTAGTTGTATT

>trans_s_9376 Novel Gene

AATCTGGGGATGGAGGCTCTGAGTCTCACTACGACCTCTTAAGCTATAGCGTTCCAAAACCTCATTTTATTTGGC
TGGATCGAGGAACCGATTCCAGTCTGAGAGCTGAACTTGCTT

>trans_s_9377 XM_002866197|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 23, mRNA

TTTGGTGGACCGAATCCTTTCCAAGAGATTGCTACCAAGAAATCACAGTCAAAGAAGCTAAAGCTGGAAAGATCTGGATCTGCAATTGAACCATTTAGGATAGGGCCGCGCTCAAT

>trans_s_9378 NM_116180|Arabidopsis thaliana MIRO2 (MIRO-RELATED GTP-ASE 2); GTPase/calcium ion binding (MIRO2) mRNA, complete cds

AAAGAGAGCTCCAGATCAGAGTGTGGAGCTGACAAATGAAGCCCTCGAGTTTCTAAGGGGAATATTTGAGCTCTATGATGGCGATGGTGATGGTGCCTTGCGTCCGATGTCGAGGT

>trans_s_9379 AJ272313|Hordeum vulgare mRNA for gamma tubulin (gtub gene)

CATACGCCAGTTTCATCAACAGAGCGCTCGCTATCTTTCAAACCCACATGGGACGGCATCGTAAGCAGAGACGTGAATGAAGTTTGTGTTGTCAGTAATGGAGGAGGAGCAGCACC

>trans_s_9380 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons 3-5

AGTATTTTTATGGGGATTCTATTTATCGCTGTAGGATTCTATTCAAGATCACTGCAGTTCCTTTTCATATGTGGGCACCTGATATCTATGAGGGTTCACCCACCCCGTTACAGC

>trans_s_9381 NM_106003|Arabidopsis thaliana calmodulin-related (AT1G73440) mRNA, complete cds

ACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTACCCAATCCTGACTGCGGGAGGTAGTGACTCGCGAGAGCGTAGCTACCCTCCATGCTATCCCGTATCGCTCCACACACAATTTTC

>trans_s_9382 AF229794|Vigna radiata beta galactosidase mRNA, complete cds

GTCTCAATAACATCCAATCCTCCATCTTTAGCCTTCTGAATAAGGTCTGGCCACATCTGAGGAGTGCTTCTTGGTAATGAATGGAACCAGAAATCAAAATTCTTCTCTTGCCATC

>trans_s_9383 AY077642|Cucumis melo galactinol synthase (GAS1) gene, complete cds

CCCAGACACCTGTTCTGTAAGTACTTATCATAATTAATATTTGTCTCACACCATAAACACTCAATATAATACACGACAGCCGACGGGTTCGGGACTGGGACCCCGTGCCAGCCC

>trans_s_9384 NM_201706|Arabidopsis thaliana cytochrome c biogenesis protein-related (AT2G07771) mRNA, complete cds

TAAACAAGAATACTCATCCAAGCCACAGGAACATGTACATACAGAATACGAGAATTTCCACCTTGTTGAAGATCTAGTGGTGCTACCCGAAGACTTAAATGAATAGCCATCGCTGT

>trans_s_9385 NM_121744|Arabidopsis thaliana pyruvate decarboxylase family protein (AT5G17380) mRNA, complete cds

CGGAATCCCTGTTACCTCTCTGGCCACTAGGGCAGTTTCTTTAGGAATTCGATTTCATTGCCTTTCATAACGAACAATCGGCTGGCTATGCCGCTTCTGCTTATGGTTATCTAACGG

>trans_s_9386 L42858|Chlamydomonas gigantea large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast gene for chloroplast product

GAAACAGCCCAGATCACCAGCTAAGGTCCCAAAGTATACGTAAAGTGGAAAAGGATGTGGAGTTGCCAGAC
AACCAGGATGTTGGCTTAGAAGCAGCCACCAACATTTCTCACGC

>trans_s_9387 NM_001065339|Oryza sativa Japonica Group Os07g0124500 (Os07g0124500)
mRNA, complete cds

CCTTGAGGCGTGTTGAACTGATTTATTACAAACCACAAGAGGTTTATGATGCCATGAGAAAGCTTGCAGAGCT
GTCAGAAGATGATGGTGGAGATGCAAGTGATGAGGCTAGAGTG

>trans_s_9388 XM_001696100|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TGGCGTGATTCCACAGGGAGAGGTTTTTCAAATTGTGGCGCACTGTCTGTGCGTTGGGCTTACATTATCAC
TTTGTGGGGGCTCCCATGGCCACCCATTATCTCGATCCCAT

>trans_s_9389 AJ414385|Pisum sativum mitochondrion cox2 gene for cytochrome oxidase subunit II

GGGAAAAGGAGGGAGACCACTCAATCCTAGGCTGAACTCGCTCGCTCTAACGCTTCTTTAGTAGACAAGGAG
TTCCGTGCATAAGCCCCCTTTAGAGAGAGGGGGGAGTCCTACACG

>trans_s_9390 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete sequence

AATTCCGGGATCGAGAATCTGGCGGGAATTGTTTTACCACCTCCAGCTGTGATCGTCGATTTTTAGCAGCACG
TTTCGAGTTTTGTGATGTGCATTAAGCACCCCCACATTCTCTG

>trans_s_9391 BT003059|Arabidopsis thaliana At1g63460 gene, complete cds

TGGTGATTTTGAACTTCGAATCAAGAGCCAAAACGAATGAATTTGTTTCAGAATGCTGTTGGGGAGGATAGC
CCGTTGCTTTTCTGAACCTCTGATTCGGAAAGTGCAGCTCA

>trans_s_9392 BT001998|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g11570) mRNA, complete cds

TCGGATGTTGTTAATCTGGACCATATTCTTTCTCTATCTATAGCTTGCTGTAGCTGCTTCTGTACAAGATCAACC
CAGAAAATTACTTCTTCTGCACCCAGTCATTTTTCACTCT

>trans_s_9393 CP000581|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 1, complete sequence

ACCCCGGAGTGAAAGGAGCGAGGCAGCTCGAACTAAGCGCTCCCACTCCTCAACTCGTGTCTACTCTAG
TGATTTCTGATTAGATGGTGTAACCTAACGAAGAGAGAGGA

>trans_s_9394 EU250005|Ipomoea batatas thiamine biosynthetic enzyme-like mRNA, complete sequence

GTAAGCCAGCCATTTATTCTTGATGAGGTGGGTGTGGAGTATGACGAGCAAGACGACTATGTCGTGATAA
AGCACGCGGCTCTGTTACGTCGACGATCAACTACCCTGAAGGT

>trans_s_9395 D26106|Cucumis sativus mRNA for ferrochelatase

ATTTGCTTTAGAATCTCAATCTCAGGCAGTGGATGACAAGGTTGGAGTTCTGCTCTTGAATCTTGGAGGGCCG
GAAACGCTTGATGATGTTTCAGCCATTTCTGTACAAGAGCGGGT

>trans_s_9396 Novel Gene

TGTGATTTTGATCTCAGAATCAGGGATACTGGAGAATTGAGTTGCAGTGGGATTCATCTTTAATTTTATAA
CCTTTTATCTCTTTTATAGTAGACCATGATACATCTCACAT

>trans_s_9397 GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

TTTCGCAAACAACAGTCAACATTTTCAGTTAATTTCTTGTTCTCTGCACTAACCTCTTCAACTCCTCCATTAAAG
CTCCAGTCTCTTCTCAACAGTAACCTTCCTCTCGACATC

>trans_s_9398 GQ996981|Antirrhinum majus voucher FLAS:M.J. Moore 314 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

GGTAATTACTTTGGTAATGGCAATTGAAATTTTATTAAGTCCCATTTATTTATTATCTATGTTACGCCAGATGTT
CTATGGATACAAGCTTTTAAATGCTTAAATTTCTTATTTT

>trans_s_9399 GQ163458|Thladiantha cordifolia voucher M:H. Schaefer 05/127 maturase K (matK)
gene, partial cds; chloroplast

TGGAAATATTACCTTGTCATTTATGGCAATGTCATTTTTATGTGTGGTCACAACCAGAAAGGATCTATATAAA
CCAATTATCCAAGCGTTCTCTTGACTTTTTGGGCTATATTTT

>trans_s_9400 FJ606762|Petunia x hybrida xyloglucanase-specific endoglucanase inhibitor protein
mRNA, complete cds

GTGATTTGTAGACGGAGGGGTTGATGTGAGAACCGCGATTGTGATTGGAGCCCACCAGATTGAGGACAAATT
GCTTGAGTTTGATTTGGCAACTTCTAGACTTTTAGGACAAAACC

>trans_s_9401 AJ865373|Olea europaea partial 25S rRNA gene, IGS and partial 18S rRNA gene,
isolate Dolce Agogia

TCCCTCGCTCAGTGAAGTCTGGGGGCGAAGGAAAGCAACCTGGCCTGACAGTTGTCCGTTTATGGGACAGAT
ACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGG

>trans_s_9402 U72148|Lycopersicon esculentum plasma membrane H⁺-ATPase (LHA4) gene,
complete cds

AGTCCCCGTGTCCCACTTACTCGGTGCCAAGTTCCATTAGAGTCGATGTAAGTAAGGGCAGTTCTTTGTCAAC
GGGATTGAATGGAAGGAAATGAACCTCTCTAATTCCTGCTCG

>trans_s_9403 CP000595|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 15, complete sequence

CTCCAGATCTTGCTTCAACTTCAAGTACAGCGCAGAAATCAAGCCACGACAAAGGGCGAGGAGAACGGGAAC
ATCACAGAAACGCACGCACAGAACCGCGTAAAGAAATAAAAAA

>trans_s_9404 NM_180091|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein
(AT2G44710) mRNA, complete cds

GATGCTCTGAAGGAGAAGTTGAAACATTATGGAGTTGATAATGTTGAGGATCTGACACTGGTAGAAGATAGT
AATAATGAAGGATCAAATCGTGGATTTGCCTTTTTGGAATTTTC

>trans_s_9405 FJ438462|Populus trichocarpa ubiquitin mRNA, complete cds

GAATTTCTCTTCATCTCTGTCGTAGCAAACCAAATCGATTTCTTCAAAGATGCAAATCTTCGTTAAGACCCTT
ACAGGCAAGACCATCACCTGTTCCACCTCACCTTACACA

>trans_s_9406 NM_001067896|Oryza sativa Japonica Group Os08g0247600 (Os08g0247600)
mRNA, complete cds

CCAGTGTTGTGGCTTTATAATCTCTATGGCTGATCGTAGAAATGGTAATAGCCAACCTCCCAGTGCGAAGGCC
AGTGGAGGAGGGAATACATATGATATTGATCTAGTGAACCTCA

>trans_s_9407 XM_002873176|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase M50 family protein,
mRNA

CATCTTGCCACCTAGTGATGGCATTGGAGTTATCGTTGATGCTTCTGTGTTTCACGAGTCATTTCTTGCCGGTG
GTATGTACCCTAGCAGCCCCCGCGCGCGGGAGTTTCTTCC

>trans_s_9408 XM_002318521|Populus trichocarpa aminophospholipid ATPase, mRNA

GGATGGACTTGAGAGTTGGGCATGTAGTTAAAGTGGAGAAGGACGAATTCTTCCCTGCTGATCTCATTTTACT
TTCTTCGAGTTATGAGGAAGCGATTTGCTTGTGAAGTCATCGT

>trans_s_9409 AY704406|Quercus petraea TUB8 mRNA, complete cds

CGGTGGACGTGACAACAGGGGAGGTGGTGGCGGTGGATCTGAAGGTGGATGGAGAAATTAGACGGGGGAT
TATGATTTTTTTTTAGCTTTTTTAGGATCCCGCGGCTGTGTCACTA

>trans_s_9410 XM_002868113|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT3g06720/F3E22_14, mRNA

CAGTAGAAAAGAAGTTGGAACATCTTCTTCCATGGTTGCGGGTGTTTGGTCTGATGATGGTAGTCTGCAACT
TGAATCCACTACTCAGTTTAGGAACTTTCAGAGACGGAGTACA

>trans_s_9411 XM_002314848|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA

TAAAATAATTTTGATTTAATTAATTTGTATATTCTTTTTGCAATAATGAAAGGTGTCACAATCAATCATAGTAAA
GAAGGTGGGGGCCCTGCCCTCCACGTCACTCGTGGCTGCTC

>trans_s_9412 NM_001065964|Oryza sativa Japonica Group Os07g0405100 (Os07g0405100)
mRNA, complete cds

TTAAATGTGTTGGTGTGAAGCATGTAAAGGGTAGAACTAACGAGAAGAGCAAAGATGTTACCACTCTAGATT
GGAATGGAGACGGGACCCTGTCTGCTACAGGTTTATATGATGG

>trans_s_9413 XM_002892893|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc ion binding protein, mRNA

GAGAGGAAATAGCTGCCCTGAAAGTTTGGTGCAGTTCCTCCAACACCTCAGTCTGCTTTGGTTGGAGGATTT
AAGGATAGATGTGATGGGCTACTGCAGTTTCAATCTTTATTCC

>trans_s_9414 AJ411902|Allium jodanthum 5.8S ribosomal RNA, internal transcribed spacer 1 and internal transcribed spacer 2

ATCTGTACGCTTGGAAGTGCTTTCCAACAAGAACCTGCCGTTGTATCCTCTGATAATCTCACTTTCCATGGTTCT
TTTATCAAGCCTATTTGAAGGACGAAGAAGGTTAGAGATGG

>trans_s_9415 EU401724|Capsicum annuum chloroplast chlorophyll a/b binding protein mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AGTGAAAACCCATTTTCTTCCTCAATCCAAAAAGATCATTCAGGAGAAATGGCCACCGTCACCACTCAAGCTTC
TGCCGCCGTTAAGGCGCCATGTGCCGCCGATCAAGATTCTC

>trans_s_9416 NM_115230|Arabidopsis thaliana MEE40 (maternal effect embryo arrest 40) (MEE40) mRNA, complete cds

GCCCATACTCTCAGAGACCACTGATAAGAGTACCATAGGTGACGATGTCGGGATTGCATCCACTTGATGTCAT
AGTTTGAAGTATATCTGCTGCCTTTTAAATGTCCCCGGTCTTG

>trans_s_9417 FJ860061|Dioscorea alata cultivar Jinggangshan Baijiaobanshu 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAGAAATTTCTTCGTGAGTACCGAACCGCTTGAGAATCAAATCCTGTTCTACAAGATCCTATATTAGCTATAC
ATCCTCCTTGCAATTTATGCCGGAGACGAGCGGTCACGATACC

>trans_s_9418 NM_001051694|Oryza sativa Japonica Group Os01g0911200 (Os01g0911200) mRNA, complete cds

GAGGAAAAAGTTGTTGACGCATACGAACATCATGGGCCTCTTGCAACCACATCTTCAGTTGTCCGAGGGTTGA
CAGCATTTACTTCTGTTACTTCTGGAAGCTTAAATCTTCCTGG

>trans_s_9419 XM_002893541|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycyl-tRNA synthetase, mRNA

GACCCGGGGGTCCCGTGACAAATATGCCTTGCTGTTTCAGGGCGCATGTACCCAGGCAGCAAACCTGATG
GGCCAATAGAAGTCTGAAACATTAAGTTGAATGGATAAGGATCA

>trans_s_9420 Novel Gene

ACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTACCCAATCCTGACTGCGGGAGGTAGTGACTCGCGAGAGCG
TAGCTACCCTCCATGCTATCCCGTATCGCTCCACACACAATTTTC

>trans_s_9421 NM_001050881|Oryza sativa Japonica Group Os01g0764900 (Os01g0764900) mRNA, partial cds

AGGAATCTATGCATACTCTCCTCAAATCCCAGGTGTTGATTCCCAGGCTTAACATCCTGGAATAATAGGAA
CTGCTCCATCGGCTGAACTTTTGAAAATTTGGAATGGGGAAG

>trans_s_9422 AY108562|Zea mays PCO098370 mRNA sequence

CACACTCAAACTCATCTACAACTCCTCAAATTTCTATTTACTAATTTTCGTAAACGCATCATGGCAAGTAAC
TTAATCACGATTCTAAAGTTGGGTTTTTGACACCACAGGAG

>trans_s_9423 BT003112|Arabidopsis thaliana At5g53160 mRNA, complete cds

TGAAGGAAACACAAAGGACGAGACTTGCTTCGTTGTAGAGACATTGATCAAATGCAATCTCAAATCTCTAGCT
GATGTCTCAGAAGGGCTTGCCATTGAGGATTGGACCGAGTTCCG

>trans_s_9424 EU908574|Solanum lycopersicum glucan water dikinase (GWD) mRNA, complete cds

GGAATAAAACTATAATGTGAAACCACGTGAAATCAGTAAAGCACAAAGACAGACTCACAGATTTGTTAGAGA
ATATCTATGCAAGCCATCCACAGCGCGAAAGATCCCCGTAAGCA

>trans_s_9425 D37958|Malus x domestica atp9 gene for F0-ATPase subunit 9 (complete cds) and
nad5 gene for NADH dehydrogenase subunit 5 (exon a and b)

GAGAGAGTACCTCTTTTTCCAGGCCTCTTCGGACATAGGGTTCGCGGAAGATCAAGTTGGTGAGCCGTGTG
ATGGGAAACCTTCCCGCACGGTTCGGAGAGCACTGACGTCTCC

>trans_s_9426 M72891|Solanum tuberosum U2 small nuclear RNA, complete CDS

AAGTGTAGTATCTGTTCTTATCAGTTTAATATCTGATACGTGAATTGAGCCAGGTGTACTATAATTTAAATAAA
AAGATCCCCCTCCCGGTACAGTCTTCTCCACCAGTACCCCT

>trans_s_9427 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

GTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTCTCTAAGTCAGTCCGGAGGACGG
GCTCATCCCGTGTAAGAATTAGGAATTCCTCTTCCAACCTCGTCC

>trans_s_9428 XM_002316814|Populus trichocarpa Sec61 transport protein, mRNA

AAGCAGCTGAAGGAACAACAAATGGTCATGCCTGGACACCGTGAATCTAACTTACAGAAAGAGTTGAACCGT
TACATACCCACAGCAGCAGCATTCCGGAGAGGCACATGCACCACA

>trans_s_9429 XM_002867548|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT4g25730/F14M19_10, mRNA

AGCAATATTTGACAAGGAACAAGCATCAGAATGTGCATCACAAGTAAGCATGGACGGGACCGTTGATCAGAA
TCGCAGCTCAGGAGCAGCAAGCCCAAGAACTCGCGGCTCAACA

>trans_s_9430 NM_001050050|Oryza sativa Japonica Group Os01g0605000 (Os01g0605000)
mRNA, complete cds

TAGCAGTGATGATTCTTCTTCCAGTGATTCAGATTCCGAAGGCAGTTCTTCTGGGAGCGATTCTGACGACA
ATGCACAATGAAGCGGGATATGACGAACAGGGTGGAACAGGA

>trans_s_9431 EU002399|Coriaria nepalensis photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB)
gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes,
complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

AGTCTGATACAAGATTGCTCTGTTCTTTTTTCTTTATTTTTTGATTTGACATAGATAGAACGTTAGATAAATCT
TTATTCGGATTGCTTACTTTTCATTTCTTTGACTCTTGTC

>trans_s_9432 AY094062|Citrus reticulata R1 mRNA, complete cds

CAGGTGCAGATCTAGAATCTGCAGTTCAAACTGCTTGGGTTATCGATCTGAGGGTCAAGGCTTCATGGTTGG
GGTGCAGATAAATCCTATTTCTGGTTTGCCGTCACTCTTACCT

>trans_s_9433 Novel Gene

AAAGAGTCTCGACGACATAGCTCTATAGCATGCAACCGATAACGAAGCCTTAGTGGATATAGCAAGTGTGCC
GGGGAAGAGAGAAATGCCCTTGTCTTTTCTCCGCAAAAATCTC

>trans_s_9434 X58542|C.sativus hpr-A gene for NADH-dependent hydroxypyruvate reductase

CTAGGCTTAGTGCTCACAACCTGTACTTTCCATTAGGATTCCATACTTCGATTGAACTGGTTTCGCCATTGGA
GCTCAAACCTTCAAAGCTGTTTTCTCCACCACTGAAGTGAG

>trans_s_9435 AB252057|Brassica napus gene for 16S rRNA, partial sequence

GTCCCCGAAGGGAAAACCTCTATCTCTAGAGTGTTCAAGAGGATGTCAAGACCTGGTAAGGTTCTTCGCGTTGCT
TCGAATTAACCACATGCTCCACCGCTTGTGCGGGCCCCCGT

>trans_s_9436 Novel Gene

ACTCAAAGAGAGCTCCACCTACTTTTGTCTTAAAGCTATAATCTCTATGTACAGAGATGGTAACTTTGCGCG
AGAAAGTAGAACTGGGCTTTGGCACATCCACCTCAATTCAT

>trans_s_9437 CP001333|Micromonas sp. RCC299 chromosome 15, complete sequence

CTGCTATCTCATCCCCAACTACAGCTGAATCCTCTCCTGGACCTGGAGATTCCCATTTCAGAGCCAATACTTCCTT
TAGTTTCTCCATCATTGCAAAGGCAGGCCCTTAGTTCTCC

>trans_s_9438 AF153442|Pisum sativum chloroplast psbB operon, complete sequence

GCATTTCTGGTCCTTTATAGAGAATAGAAATCATAGATTTGTATAATCCCGCCCGCAGCCGTCTGAAAAAAGG
AGGAGACGCCCTGCCATCATTACTCTCTGCGAACTCTGTGGG

>trans_s_9439 EF207452|Penthorum chinense inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CCCCCAAATACCCCCCTTTGGGGTTATCCTGCACTTGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATA
ATTTGATTCTTCGTCGCCGTAGGCAATAAGAGAGTTTTACCG

>trans_s_9440 HQ328940|Hordeum vulgare ethylene insensitive-like 1 (EIL1) gene, complete cds

ACAACAATCCCTAAATCCACCCAATTGAGGTCTTTAGTTCTATCTTGAACCTACGTAAGAATTTACTCTCGCGAAA
AGGAAAGGAAAGTATTTCTTTCTTTAGTTTGGAACCCGGG

>trans_s_9441 FJ515510|Hordeum vulgare subsp. spontaneum cultivar IPK HOR 12752 pseudo-
response receiver gene, complete cds

AGACCAGAGAATTAATTGAGGATTTGAGAAGTGTTAGTGGAGGAAACATCCAGAGTGGCAGATACAAAGCA
GGAGCAGATTCAAAAACCTTTGTTGAGAATACTGTACACCGTGGC

>trans_s_9442 XM_002329971|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTC901),
mRNA

TCAAGACAATTACTGATGAACCACAGAGCTTCATCGATGAGGGTGGATGGGAATTCTTGAATTTGGAAGCTAC
TGACTCTGAATCTGAAAACCTCCGCTCCTTCTCTTAAGGGTCG

>trans_s_9443 AF334839|Castanea sativa ribosomal protein L18a mRNA, complete cds

AGGTTGTGGGGAGGGCTCTCCCATCCGAAGCAGATGAGCATCCCAAGATTACCGAATGAAGCTGTGGGCTA
CTAATGAAGTTCGCGCTAAATCCAAGTTTTGGTAAAAAGCATA

>trans_s_9444 AY137518|Hordeum vulgare subsp. vulgare hypersensitive-induced reaction protein
1 (hir1) and KED-like protein genes, complete cds

GACGCAAAACCATATAGTCCATACGTTCTATCCTTATCGCTGGCTTTCGATATTTGATAAACCCATCTTTTACT
CTGCTCCAGTTCATACTTCATTGGGAGTTTTCTGGCTCACG

>trans_s_9445 XM_003083403|Ostreococcus tauri Nuclear helicase MOP-3/SNO (DEAD-box
superfamily) (ISS) (Ot16g00010) mRNA, complete cds

GATCCTATTGGGAAGGAAAGCAGCTGATAACCTCTTCTGGGATAGCTTCTTCTTTGGACCAACGGCTTTCTT
CTGCTTCTTCACTCTCCTTCTTAGTCGAGCTGCTTCGCTCC

>trans_s_9446 EF151134|Physcomitrella patens subsp. patens trehalose-phosphatase 1 mRNA,
complete cds

ACCTCGTCTATCAAAGGTAAAACTCACTAGCAGGCTGGAACATAACTTCCTTGCCTGGTCGTCAGTTGAGT
GTCTATCAGAGACCATTATGTCCATTCCATGACTACCAGCAT

>trans_s_9447 FR677573|Citrus reshni microsatellite DNA, locus mCrCIR03B07

ACCCCTTTACCGTACTTTTGCTTCCAATCATGGCAACTCTTCATCGGCTAGCTGGACAATTACTCTCTGATTTAA
TTGATCGCAGTATAAAGATGAACAAGCTATACCTCAGAAA

>trans_s_9448 XM_002329762|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription
factor (ERF44), mRNA

TGTGAGAACTCTTGAAACAAGCACATATACGTGGTGACTTGTAACCTTTTGTTTAAGATCAGTAAATACGACGA
CAGTTACCTAAGACACTAGCTTACGGTGATCTTTCAACCAG

>trans_s_9449 Novel Gene

AGATAAATCTGAATGAATCAATATCCACAATAGGATACCTTCACTGACAGAAACAGAGCAGATTGCAAAGAA
GATTTGCAAAGGGATAAACTGAGTCAACAAGGACCCAAATGCC

>trans_s_9450 Novel Gene

AGTGCAACTCAGAATGGAAGAGGTTAATATGGATTTCTGACGACTGAGGTCTCGACTGAAAGGATAAAATAA
AGCTCCAGATGAGTTGAGAAGAATTTGAGAAGAATTTCTCTTC

>trans_s_9451 NM_105475|Arabidopsis thaliana FKF1 (FLAVIN-BINDING, KELCH REPEAT, F BOX 1);
signal transducer/ two-component sensor/ ubiquitin-protein ligase (FKF1) mRNA, complete cds

ACCGACAATTCTGGCCCAGGACCTCATCGGCACGGTACCCAGTGAAGATCTCGAAGACTTTGTTGACGTAGAT
GATTGGGAAATCGGGCTCAAGAGCATCAGAGACGACGAAAGA

>trans_s_9452 NM_001125213|Arabidopsis thaliana HGL1 (heteroglycan glucosidase 1); hydrolase,
hydrolyzing O-glycosyl compounds (HGL1) mRNA, complete cds

ATTCGCGAGGCGTCGAGATAGATTTGCAGAACAAATCAAATCGAAAAACACCATCTTCCAGTATAGGCTCAAAA
ATCATATTCCCAGAGATAGTAGTATCTTTGTGGTTCCTTCC

>trans_s_9453 AF017157|Cucumis sativus 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGCCGAAGACTAAATAAGCCGGAGATACTGATCGAGGTAATTCAATAACTACACCACTGCAAATACCCTGTCTG
ATGCGCTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGT

>trans_s_9454 Novel Gene

AATAGGTAAATAGAAGATTCTTCTCCGGGGATTACTAGTTATATTGATACTTACTCGGCTGAACTATAAACCCG
TAATATTGATGTTTCTTCTGAAAAGCCTTCCCAAGGAGGGA

>trans_s_9455 Novel Gene

CAAGTGTGACGGCCACGGTAGTCTTGATAATAATTATGCTGCAAGTGATGGTAAACTATCTCTATCATGCTGCC
CACTGTTCTCAACGATAGTCTCAGAACTTCCAACAGGTTCT

>trans_s_9456 AB298592|Brassica rapa SRK-54, SP11-54 genes for S receptor kinase-54, S locus
protein 11-54, complete cds

TTTCCTATCCGGGGGTGCACTTGTGGCGGCTTCTGATTTATTCGGCCTCTATGACTAGCTCCATTCTCATATGCT
TAATCTGCAGAAAACAAGCTAAAGGTGTAGTGAGGCCCCC

>trans_s_9457 EF415800|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 014BT21M12-314.6 mRNA
sequence

GGAGATTGCAAAGGTTTTAGACTCGCACCAGATTCTGCAGCTGCCGATTGCTGCCATGGATCTTGTAGGGGTA
ATCCGGCGACTAACGACTGGATTCCGGCCCTATTACGCTTAA

>trans_s_9458 GQ227682|Bruguiera gymnorhiza glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase
(GAPDH) mRNA, complete cds

GGACGCAAGGATTCCCCAGTGATGTCATTGCCATCAACGATACCGGAGGCGTCAAGCAAGCTTCTCACCTCC
TCAAATACGACTCCACCCTTGGCATCTTTGAAGCTGATGTGG

>trans_s_9459 CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

TAGAGCCTCTAGTCTATCTGCCGAGGGGAACGATGCCGGTGGCTCCAATGAGGATTGGGGTTCGAGAACCAT
AGCCGAGGCCGCCATTCTTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATC

>trans_s_9460 BT008882|Arabidopsis thaliana At4g33080 mRNA, complete cds

CCAATAGGTTTTTTAAGCAATACTTCTGGAGCAATATAATCTGGTGTTCCTCAACTGTTGAAAATGCCAATTTCTC
CGGTTCAATTTGCCAATGGTGTAAGTGTCACTGGGACTCT

>trans_s_9461 AY579887|Citrus unshiu AML1 mRNA, complete cds

ATGATTTTGACTTAAGTGGATTGCCCAGTCAACTAGAGGATTTGGAAGAGTATGACCTATTTGGCAGTGGAGG
GGGAATGGAACTAGATTTTTCTGGAGTTCTCTTGGACTCTAT

>trans_s_9462 NM_126270|Arabidopsis thaliana ETL1; ATP binding / DNA binding / helicase/
nucleic acid binding (ETL1) mRNA, complete cds

ATCTACACTTTCAACAAGCATTCTTTGACCTCGGCAGCAGATATCAAGGGCTCAGTGACGCATCTGGGTACCA
ACTTTTCTACCCGGTCCCGCAAGTTGCAAACATTTTGAAC

>trans_s_9463 AM886050|Vicia lutea partial cvc gene for convicilin, exon 1-6, isolate cvc2516

CGAGGAAGTCAAGCTTCATCGGAGCGTCAGTCTACTGGCCTCCAGAGTGAGCAACAGACAATTCTTGAATCA
GTTGTGGAACAGCACCCGTGGTCCAGCATCATGGAGAGGCCAC

>trans_s_9464 XM_002313176|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE912),
mRNA

GATTGTGAAGAAGAGAAGTGGACATTTGAGACAGGATGGGGATGAGATTGAGCTCGACATTGAAGCAGTTG
ATACCGAGACCTTTGGGAACTTGACCGGCTGGTGACGTGCCAA

>trans_s_9465 EU326024|Triticum monococcum AccD (accD) gene, partial cds; chloroplast

ATGGCCGCTGGCTTTTAAAAAAATTATTCTATGTAGCAATCCTTACATCTCCTACTACTGGTGGGGTGACAGCT
AGTTTTGTGCGTGGTTTTTCGCGACGGCGGTAATCCAATCC

>trans_s_9466 Novel Gene

GAGACTAAAGCAAGTGTGGATTTCGTCCCTATGATGATTGATTGGAATTATAAAAGTAGTGGACTGAATCTTA
CTGATGAGAAAGTATCAATCCTGAGGGATCGCCTTGGCCGTAC

>trans_s_9467 AB095515|Arabidopsis thaliana transposon CAC5 DNA, complete sequence

AATGCCATTAGCAGATCAAGTCCGTTGTATTATGTACTGAACACATTTTTTAATCGTATAGTTCTAAATCCTATA
ATCTGTGACCAAGTTTTAGGTTTGGGCTCAGTCCTCAAC

>trans_s_9468 AB001591|Cucumis sativus mRNA for CsPK4.1, partial cds

TCGACGACGACGGAAACCTTAAGGTAAGTATTTGGACTAAGCGCATTTTCCGAGCACTTGAAACAGGATGG
ATTGTTGCACACACAGGTGTTCCACAACATACGTGTTGTTTT

>trans_s_9469 D50085|Cucumis sativus mRNA for NADPH-protochlorophyllide oxidoreductase,
complete cds

CAACTTCAGGCAGTCTGGCAGGCCGCTTGATGTGTTGGTGTGCACGTAGTAGTGGGCAAGCAACAGTAGCC
CTCTAAGCAGGGACAGTAGTCCTTGGGGTCCAGGCTGTGGTTC

>trans_s_9470 EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

GGTCGAACAAAAACAAAATACTTTTTCTTGGTAGGTGTGATCCACTGGACATAAATCCAATTTTCGATTTTTT
GATTTCTTAGAATTTTTTTTTTACTCTAAGACACAGGCGAG

>trans_s_9471 NM_001051325|Oryza sativa Japonica Group Os01g0846500 (Os01g0846500)
mRNA, complete cds

GTTTCACCTTTGTTGACCTAACTATATGCTACTACAGCATACTACACCCCAATCAACAAGGTCGAGTAAATG
GAAGTAAATATGTCTTACTCGCACACTAAACCGATGCTGTC

>trans_s_9472 Y10821|Solanum tuberosum mRNA for plastidic ATP/ADP-transporter

ACCAGGGATGAGGCTGTTCTGGGTCGGGTTCAAAGGCGAGCGACTCGCAAGGGAGCCATTGTCACCGTCGTT
CTGCGACACGACTGGGATCTTCACGGCTGATCTTCCAACCTCC

>trans_s_9473 AP010819|Ephedra equisetina chloroplast DNA, complete sequence

TATCTGTTTTGGTTTTATTGCTTGTTGTTTTGTCTGGTTCATATTATGACGAATAGGCTCACTCAAATGCCCCG
GCTGACCTGGTCTTCGAAGAGTTCGAGTTCGTAAATGAAA

>trans_s_9474 FN870624|Papaver rhoeas mRNA for legumain/vacuolar processing enzyme (vpe1
gene), cultivar Shirley

CGGGCGTCGGGTGACTGGTCTGAGACAGAGTGTGAGGTGCTTGAAGCCGTCCGTCCCACAGGACGACCCGT
GTTGATGACTGGGACTGTCTTAGGAATATGGAATCCTCGAAGC

>trans_s_9475 AY396215|Acanthosicyos naudinianus Ycf5 (ycf5) gene, partial cds; chloroplast

TCCTTTGATGAGATCCAATACATCAACGAAGGGAATATTTTGTAAGAAACACTTCCTTTTTTCTTCGAAGAAT
TATTATAAACTCTGGTCAGCCTGGTGGCCGAGCTGCCAAG

>trans_s_9476 Novel Gene

AGGGAGAGATAGAGAAGATAAATGGGGATTGTTGGGGTTCTCCAGTTGATAATCATACTCCTAGTACCACT
GGACATCTCAGTTCAGTTATATCCAGACAACCAGTCAGACAA

>trans_s_9477 CT029389|Poplar cDNA sequences

AAAACAGAGAAACCACCATGAGCTTTCGCAACATTGTTGATAAGTTCCATGATAAGCACAGTTTTCCCCACACC
AGCACCACCAAAAAGCCCAATCTTTCCTCCTCTTGATATG

>trans_s_9478 HM122494|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L20)
mRNA, complete cds

TCGACCGCCATTCGAGAACACAGACAATGCTTTTTCGTTCCTTATCCCTGGATCTGGCAATTACACCCAAAAAT
CTGGTGCAGAATCAAGCTCTAATAACCTTGAATGAATGATG

>trans_s_9479 XM_002299262|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP78D3v1), mRNA

CAATCCCATTGCTTTTCCAGGACAACTCTTCTCCCTGCCCAAATGGGGCCAATCTCAAATCACTTCCCATAAC
ACTAACTTCTTCTCCATGAATCTGTTTGGATCAAATTC

>trans_s_9480 X89384|C.lewisii PgiC1-a gene for cytosolic phosphoglucose isomerase

TCTACTGGATCTCCACAACCTGAAAAGAAGACAGAAATTGAACACCAGAATACTGATTTAAAACCATTTCAAG
GACAAACTGGTTTTCCACCTACCAGTGCAACTACTAATAGTG

>trans_s_9481 X80170|O.berteriana rpl2 gene

AAAAGCGCGGGCTGACTCGGAGACCTGGGACCTTGGCTTAGGAAGGAATGAAGGGGAGCTCTTCTCGCTTTC
TCCGCCAGTGCGTTAAGTAGGTTTCTTTAGTAGCTGCAACT

>trans_s_9482 GU007773|Arabidopsis thaliana ecotype Ws-0 KRP6 5' flanking region genomic
sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACAAAGGAAAGTCTAACTGCGTGCTTGGGAGTAGGGGGCTAAACATATTTTTT
GGTAGTTCGATCGTGGATAAATAAAAAAAGACATAAAGGCCT

>trans_s_9483 AY110880|Zea mays CL56923_1 mRNA sequence

CGTTTGAAAGATGTCCACCTCCATATTAAGGACAACGAGGTTGACATTGTGATCGGAGCATTCCACTCTGATC
TGACTAGTAAATACTTACTCGTTCTTAAGTGGGGACAAAGA

>trans_s_9484 XM_001700967|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TATGGAGCTTCGAGTGAAGAGCAGATAAAGCCCTTAAACCATGCTCCTCTGCGGCATCTTGCGTGTTGGCCCA
TTCTTGCCGGTGCCAGGCGATCCCTCATCACATCGTTCTGCA

>trans_s_9485 AF210617|Zea mays subsp. parviglumis P2-t protein (P2-t) gene, complete cds

AAGAGAGAGATATGGAATGAACTAGAAAGCAGTCTAGCCATACCCACAACCTCATTAGCCATGGCCGACTCCCCA
TTGCTGGAATGTATCGAGAGTCGCGGTGAAACAACATGGGCA

>trans_s_9486 AY108693|Zea mays PCO078930 mRNA sequence

TGCCTCCGGTTGTCCACTAAAAGCCTCAGACGGAGCCTCCGTTAGGACTCTGAAGACCGAAGGACTCTGAAAG
CCAACCTGGTAAAGCTTCTAGCCAAGAAGACGAGAAGACAGCT

>trans_s_9487 AC147426|Oryza sativa chromosome 3 B1377B10 genomic sequence, complete
sequence

AGCTGCTTCTACAAGTGAACCTCAGAACAAAACCTGAAGTACCAATGTTTGACCTGAGCAAGAGCAAAGAAGCTT
TCTGCAGAGCTTTCAGGGCCATACGAATTAGGCATCTCCCCA

>trans_s_9488 AL161584|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 80

AGTTTATGGAAGTTTAATTGTAATGCTGGTGTTCTTACCTGTGAAGCTTGCTATGAGGATGGTGCCCTCCATTT
TTCCTCTTGATATATCGTAAGTCATATTAGCTGAGCGGCAT

>trans_s_9489 XM_002318894|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTC903),
mRNA

AATTCCAGGGATCTATATACTTGAAGGAGGTTTCATTCCGTTCCAAAGACCCAAGACACATCAGTGAAGTAGT
ACAGCTAATTAACAACTGCGGAGACAGGTTGTTGCTAGGGA

>trans_s_9490 DQ122889|Chlamydomonas incerta elongation factor alpha-like protein (efl) mRNA, complete cds

CATCAGAACACGGGTTGGCAAGTAACCGCAGAAGAACATCCATTCTACTATTCTCTGTTTCCAAAGAGATTCT
ATTACTCAAATGAACTCCACTGCCGCGGGCTCCTCCGCCAG

>trans_s_9491 XM_002876954|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata shikimate kinase family protein, mRNA

AAAGCAATGGATGTGGGTCCTGAATTGAAAGGAACTTCCATCTTTCTCGTGGGGATCAACAGCTCCATAAAAA
CTAATTGGGGAAATTACTGGCTGATGTGTTGAGATGTCATT

>trans_s_9492 XM_002322091|Populus trichocarpa autoinhibited H+ ATPase, mRNA

GTTATCTTCTTTTGGGCGGCCTATAAGACAACTTTTTTCCACGAGTCTTTGGGGTAGCAACTCTCGAGAAAAC
TGCTCACGATGACATAAGAGGGTCAATTCTGATCTGTGCAA

>trans_s_9493 NM_101971|Arabidopsis thaliana SEC5B (SEC5B) mRNA, complete cds

AGAAGTTTGATCGAAAGGTATCTGCAATCGGTAGACCGGGACTCAACCATTTCAGTCCTTCCCTCGTGGCAT
GGAGTGTATAGATCCACTTGGGTTGGGAGTAATAGACAATAG

>trans_s_9494 AB053190|Salix reinii DNA, microsatellite marker Sare09

AGGAACCAGAAGTTCCCTCTCCGTACCTTCTGATATAGATGAAGGGTCTGAAAGCCATCAAAAAGAAAATAC
TGATCCTCTAGATTTTCATACGGGGACCAGTTGTGACTCCCAG

>trans_s_9495 AY206007|Nicotiana benthamiana glutathione S-transferase U2 mRNA, partial cds

AGGGTTTCCAATGGTCTCATAGGCATAAAACCAAGTGTAATATCCAATCAAAACTATGTCTACAAATCCTAAAC
ATTCACCTCCAAAGTAAGCCTTCTCCTCGATTACTTCTTCA

>trans_s_9496 NM_121065|Arabidopsis thaliana CDKC;1 (Cyclin-dependent kinase C;1); kinase (CDKC;1) mRNA, complete cds

ACCTGCGAGGCTGCTACACGAGTTCCAGACAAAGAAGAAGCGCCAACAGCAACGACAGCATGAAGAACTG
CAAAGCGACAGAAATTGCACACGTACACATGCAACATGAGGAAT

>trans_s_9497 HQ112989|Panax trifolius isolate Z153B_M NADH dehydrogenase subunit 1 (nad1) gene, exons 2, 3 and partial cds; chloroplast

TCATAACCTCCGGACGGGTGACAGATCGGCCATAGCAGTACGTAGGGATATAAACCAGGGCAACAAATGTTG
AGCATACGACGATGCCGCCCCCTTTCATTCGTGGAAGTTTTT

>trans_s_9498 X96812|R.semibarbatum 5.8S rRNA, 28S rRNA genes, ITS1 & ITS2

AAAAATGATCTTGGAGATTGACATTACGAATGAGAGTTTGATAAACAATATGTCATCATTATAAGAAACAAA
GAGAGAAGTAAAGCCTAAGGATAGATGTCTGGGCCCCATGC

>trans_s_9499 FJ708812|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

AACCAAATCTGTGGCAAAAGCAGAAGGACCTCAAGCTTGGCAAATGATGAACTTGAAGGATGATGTATATAG
CTTTGGGTTTGTACTACGCTCTTACAGGTGTTACAAGGACACC

>trans_s_9500 CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

GAGGAAAGGCGAAGTCGCCTAAGAAAATCAAGACGAACGGGGTGACGTCTGCCGCAAGGCCAGCTGGTGGT
GCCATTGGGATCTGCAAGAACACGCTCACGCCCCAAAAGCATCC

>trans_s_9501 Novel Gene

CGAGGGCCAATATCTTCAGAATTGTAACAGTTCCAAGCCGCACAACCCTGCTGAGCTTCCTTTTCTGTCTCAGA
ATATAGAACTGGGTCATAATCATCAGAAGAATGAGGGGGGT

>trans_s_9502 CP000588|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 8, complete sequence

TTTGAATAGGTCTCCAAAAGACTTCCTTGCTTCATTTTGTAGTGCATTTGGAACAGTTTGAGTTACTCTCGTTATT
TTTTAAGATACTTTGATACACGCAAACCTCGAGGTCAAAC

>trans_s_9503 EU583459|Populus trichocarpa histidine kinase 3B (HK3B) mRNA, complete cds

TATCAGAAGATGGGTTGCAGCATGTTAGTCCCCTGAACTTTGGGGATCCAGATAGGAAACATGAGATGCGAT
GCAGATTCAAACAAAAACAACCTTGGCCTTGGTTGGCAATGAC

>trans_s_9504 EU930859|Juglans cinerea marker CAPS08 genomic sequence; plastid

ATATTTGAAAGTTTCAATTAGTTCCTTATAAGACCCAAAAGTCTAGTCTAGGGGAGTTGAAAGGCGGGAATGG
CCAAGATTCATCTCAGATACAGTACAAATAGAATCCGATTTCG

>trans_s_9505 XM_002874859|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

CGAGAAGGAGTTCAAAGTTGAAGTTGAAGCAATTGGACGAGTCAGACACAAGAGCTTAGTTAGATTGCTTGG
ATACTGTGCTGAAGGTGCTCATAGGATGCTCATATATGAGTAT

>trans_s_9506 HM062767|Miscanthus sinensis elongation factor 1-alpha mRNA, complete cds

CTGCTTCTTTCTTTTGATTTCTCTGCAAATCTTGTGGTTCGATTAATACCAAATGGGTAAGGAAAAGACTCATA
TCAACATCGTGGTTATTGGCCACACTAGTGAGTTTCCTGC

>trans_s_9507 AY110968|Zea mays CL24153_1 mRNA sequence

GCGCAAAAACTCTAACACCAAATACAACACACAACCTGACATCAAGTCAACGGAGTCATACAGAATATTTGTT
TAGAATAGATGAGAGAGTAACATCTCCAAAATCTTCTACAAA

>trans_s_9508 EU009622|Vitis vinifera retrotransposon V16, complete sequence

TCCAATTGCATTGAGAAAAGGTACCAGATCATGCACTAAACATCCCATTTGCAACTATGTTTCCTATGATAATC
TCTCTCCACAGTTTAGAGCGTTTACAGCAAGCCTTGACTCT

>trans_s_9509 AJ292767|Nicotiana plumbaginifolia partial mRNA for RNA Binding Protein 45
(rbp45 gene)

GTGTTGCACCATGTTCCCATACAACAACGCTACACTGTAGAACATGTTAGGGTCTTGGGCAGCTGGAGCATAG
CTATAATTTTCATATCCTTGTCCATATCCATAATATCCTCCT

>trans_s_9510 GU724876|Thellungiella halophila chloride channel A (CLC-A) mRNA, complete cds

AAAGTTCAAGTGTGTCAGTACATATTCTCTAAATGGACTTTGGCTTGTCTTGTGGACTTCTTACGGGGATCAT
TGCCACTCTCATCAATCTTGCCATTGAAAATATTGCTGGCT

>trans_s_9511 NM_001074041|Oryza sativa Japonica Group Os11g0216300 (Os11g0216300)
mRNA, partial cds

CGGCAGCTTAGAAAACCTTGTGTGATCTGGGGCCTTCGTTCAATTAAGCTGGGCAGGTTCTTGCCAACAGAC
CTGATATTATTAGAGAAGATTATATGAATGTTGAAACGTAAG

>trans_s_9512 AF339025|Fragaria x ananassa pectate lyase gene, partial cds

AAGGGTCGGCCTTGCATGAAGCAAACGCACTCTGTCCAGAACTGATATTAATCAACTCAATGTTTTGTGGCA
ATTTCTTCGTTTGACAGGGCAGGGCTCTAAGAAGGCTTGCACT

>trans_s_9513 GQ998704|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 RNA polymerase beta
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

AACTTTAATTTTCATCAAGTTGATGATAAAATACACGGACGTTCCAGTGGACATTATGCACTTGTTACACAACA
ACCCCTTAGAGGAAGGGCCAAGCAAGGCGGACAACGGGTGG

>trans_s_9514 AM116756|Coffea arabica mRNA for alpha galactosidase precursor (gal2 gene)

TTCTCGTTCACCATGTCCACTAGGTACGGGGTCTGTATAGCCATAGCTCTACTCCGTAATCCTGAAAATGCCC
AGAAGAAAGACCCTCTCTTCTAACAACGAGGTCTTGGAAT

>trans_s_9515 EF635393|Conradina canescens microsatellite CSRC1 sequence

TGATGAAGACATCCTCAGAGAAGAATGACGAACGGTTGGAGCTTTTGATCTGTGCCTGCCTTTGTGTGCAACG
CTTGCACTGCTTCTGTGTCCACTAATGGAAGACGATGGTATA

>trans_s_9516 NM_001124071|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT1G63770)
mRNA, complete cds

AAACTATCAGTTTCCTCAGGATGCTGGTCCCATGGCTCATCCAGTTCGACCACATTCCTATATCAAGATGGATA
ATTTTACACAGTGACGGTCTATGAGAACCCACGACTTGAG

>trans_s_9517 AF027686|Onobrychis viciifolia glycine-rich protein mRNA, complete cds

TCTTGGCTCTTGTGGCCACTCATGCCCTAGCTAGACCTACACCAAAGGATGACACGTTCACTGACCAAAAGAA
CTTCCTGACCTATGGTGGCGTCCCACCGATGAGACCGTAGAA

>trans_s_9518 Novel Gene

CACATGAATGGTGGTTATGGTCGTCGTGACGATGACATGCATTCTTCCACTGTGGCGGCGGTGGTGGCGGC
CGGTTTCGGCCTTGACATGGGTTCTGTGGGCATAGGTACTGGGG

>trans_s_9519 NM_111297|Arabidopsis thaliana PTAC3 (PLASTID TRANSCRIPTIONALLY ACTIVE3); DNA binding / nucleic acid binding (PTAC3) mRNA, complete cds

ATATCGTAAATGACATCAGAAACACCAAGTGGATCGTGGTTTCTAGCGCGGTCCATGAGTTCCTCCATGAAAG
TGAAACGGAGGGAGTTCTCAAGTGAAGTGAATCATCGTCCT

>trans_s_9520 NM_102773|Arabidopsis thaliana ERD4 (early-responsive to dehydration 4) (ERD4) mRNA, complete cds

TCGCTGATCGTCACAGACAACAAAAGGTCAATAAATTGTGGGAGGAGTTGGAAGGATACAAGAAGAACTC
GAACGGTCCGAAGCTATCTCCCTTCGTCTCCCCCTCTCCGCCT

>trans_s_9521 BT026372|Arabidopsis thaliana At4g03250 mRNA, complete cds

CCACAAGACTCGACTTTTACCGTTGGGGATAAAGTTATCACTACCAGGCCTAATTTTCATTTCTCCAACCACAT
TTCTGGAATATGTCAGTTCCTGTTTCATGCTAGTTCAGCC

>trans_s_9522 Novel Gene

GATAGTGGTCTAATGACAAGGGCCGAGGAAGCTCGGGACGGAGCCGTATGATGCGGAAGTCTCACGTACGG
TTCCCTGAGGGAGGAGTGGCTACCATGACAGATCCTAGTTGGTC

>trans_s_9523 AB108146|Phleum pratense DNA, SSR, microsatellite A07-D04

CATAGTTATACTTTTCATCACTCACACCCACAATCACCAACACTTACAGTACAAGTTCTCTTTTCTGTAGATCTG
AATACATTTTTTGTCTTCTCCAAGATCTGGATAAAGGTG

>trans_s_9524 AM116756|Coffea arabica mRNA for alpha galactosidase precursor (gal2 gene)

TTCTCGTTCACCATGTCCACTAGGTACGGGGTTCTGTATAGCCATAGCTCTACTCCGTAATCCTGAAAATGCCC
AGAAGAAAGACCCTCTCTTCTAACAAACGAGGTCTTGGAAT

>trans_s_9525 FN563098|Micromonas pusilla plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 489

AGTCAAACCTCCGAATGCCAATGACTTATCCTTAGGAGTCAGACTGCGAGTGATAAGATCCGTAGTCAAAAGG
GAAACAGCCCAGACCGCCAGCTAAGGAGGGTTTCACACATTTCG

>trans_s_9526 HM749062|Gossypium hirsutum cultivar Coker 312 xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase (XTH1) mRNA, complete cds

CGAGGATTTTAGGGTGACTTGGGCGGATAACCATGTAAGGCAACTTGATGGTGGCAGGGGAATTCAACTTGT
TCTCGACCAAAGCTCTGGTTGTGGGTTTGCTTCGAGGCGGCAA

>trans_s_9527 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

ACTCTCAGGCCTTCGGTCTCTTTTTTGAGCAAGAATCACAGCCTTACCGCTACGTGGGCTTCACCATGATACGG
ACTCCAAGTTCTGATGGCGGAGCACGAGGGGATTCTCAGA

>trans_s_9528 AF061515|Spinacia oleracea ferroxin-dependent glutamate synthase precursor, mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GGCTCTCATGATCCTTGTTCTGAGGCTTACAAGAATCATCCTACATTGATGATCAAATATCCGGAGGTTGTTG
ACTTTTATGACTATTACAAAGGTCAAACAAGACGGACAAGC

>trans_s_9529 AY059632|Medicago truncatula type IIB calcium ATPase (MCA1) mRNA, complete
cds

AAAACCTGAATGGGGAAAGTTGATGGAACTCTCAGTGAGGGAGGAGAAGATGAGACTCCATTGCAGGTGAA
GCTGAATGGTGTGCAACTCTTATTGGTAAAATTGGGCCAACTT

>trans_s_9530 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

ATTAACAAATGGAAGAGCTCAATTTATATTGTACCTTCCGACCGTCAGTGGTTGTCCGTTTATGGGACAGCCG
TATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTG

>trans_s_9531 XM_003055221|Micromonas pusilla CCMP1545 glycosyltransferase family 41
protein, mRNA

AAGCAACGGCCGATGATTTGGATAGAGTCCGTTGCGCTTGACAGGCCGCACTTTTCGCTCTCGCAGGCGCGG
GGAGGCCGCCTTGCCGCTGCTCACTAATAATTATACGGCACT

>trans_s_9532 AY488758|Pisum sativum short-chain dehydrogenase Tic32 mRNA, complete cds;
nuclear gene for chloroplast product

CATGTGGCATTGCATCCACAAGTAAAGGGAGTGAGTGGTGAATATTTTATGAATAGTAACCTACACAAGGCA
ACCCAACATGGCCAGGATATGGACTTGGCTAAGAACTTTTGG

>trans_s_9533 AJ007728|Orobancha minor chloroplast trnV(GAC) gene, 16S rRNA gene, trnI(GAU)
pseudogene, trnA(UGC) pseudogene and partial 23S rRNA gene

TGAGCCAGGATCGAACTCTCCATGAGATTCATAGTTGCATTACTTATAGCTTCCTTGTTCTGCTAGACAAAGCTAA
TTCTAAATGCATCCCTCCAGAAGTCGGGGTTTGTGCACG

>trans_s_9534 EU541445|Gossypium hirsutum magnesium chelatase subunit I (ChII) mRNA, partial
cds

AGATCCCTACAATTCTGACCCTGAGGACCCTGAATCAATGGGTATTGAAGTGAGGGAAAGTCTGGGGAAAGG
AGAGCAACTGTCAAGTGGTGATGACCAAACGGCACGCACAACCTG

>trans_s_9535 NM_001190087|Oryza sativa Japonica Group Os12g0569700 (Os12g0569700)
mRNA, partial cds

AGCTGAGAAAGAGCTCTCAAACCTCAGCCGAAAGATGGTGATAATTGATTATATAATCACAAGAAATCAGGA
ATTTGGGTATTTGCATCATAGTTTGAGGAGGCACCCCTTCT

>trans_s_9536 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

CCGGTGGCTCACTTTTTCTAAGTAATGGGGAAGAGGACCGAACACGTAACAGTCCCTCAGAGCAGTCTCACCC
TCGTTTAGTGACCTCCATGCTCTTCTTGCTTCGTTTACTGGT

>trans_s_9537 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

GCCCGTACCGTATATGGTATATGAAGACAAAGAAATACACATATGGCACTCTCTTAGATTCTGATAGATGATA
TTAATTGAATTTAATGACGTATCTATTAGATTTAGAAATGAA

>trans_s_9538 FJ097235|Pinus taeda isolate 1965 anonymous locus 2_5064_01 genomic sequence

GAAATTGTGGAGTATCTTCAAGCAACTTATGCTCTTTAGCGAGCCATCCTTCCAACCTATTTTCAAGTACAGGT
AGGGGCCTATGTAGCTCTAATGGAATCCTTTACCCACATC

>trans_s_9539 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

CCGGTGGCTCACTTTTTCTAAGTAATGGGGAAGAGGACCGAACACGTAACAGTCCCTCAGAGCAGTCTCACCC
TCGTTTAGTGACCTCCATGCTCTTCTTGCTTCGTTTACTGGT

>trans_s_9540 EF581011|Saccharum officinarum elongation factor mRNA, complete cds

GCCGCAAGGGTTTAAGAGCAGCTTCTCTCCTCAGTTCTTTTACCTAATATTCAAGCATGGGTAAGGAAAAGACT
CACATCAACATTGTGGTCATTGGTTGTGTCATGTCTGGTCC

>trans_s_9541 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
3-5

TTTGGCTATTACCTTCTCCATTACTATGTTCTCATACGCAGGAATACCCCGTTAGCCGGTTTTGTAGCAAATT
CTATTTGTTTTTTGGGCGAAACCCCAAAAATCCGTCCC

>trans_s_9542 DQ472734|Solanum tuberosum CONSTANS gene, exons 1 through 3 and partial cds

TAAGTAGAACATTTTCAGGTACAAAACGAAAGGTCAAAGAAGTGAACCTTTTCTCAATCCAACACAGACCGTA
GGACAAGACCCATTTGATTTAGATTCCGGTAATGCGGGTAGT

>trans_s_9543 AF486839|Glycine max hydroxyisourate hydrolase (HIUHase) mRNA, complete cds

AGAAGATTTCAGTGCATATGCAGAAGTTTGCTTTAGAGAATTTGGAGATAGGGTGTTGTATTGGACAACAGTG
AATGAGCCCAATGTGTTTGTACTTGGAGGTTATGTAAACCCC

>trans_s_9544 AF521177|Hordeum vulgare contig 211252, complete sequence

AGAGTTTAGTGACAAGGAAAAATCGAGAAAAGGGTATATACTTATGGTGCTACATTCATTTTGGCTTTTACATCT
ATGGTTATGGGCGAAGTTTTTCTCCAGCTCAACCCTGCTTG

>trans_s_9545 DQ649300|Oryza sativa (indica cultivar-group) cultivar Hamsa U4 snRNA gene,
complete sequence

CCCTAAAGCTAAGACGGCAGCCGGTGAAAGTGAATAAAAATTATTCTATTGCTGGTTGAAAACCTATTTCCAAA
CCCCCTCTTCCGGACCCGAGGGTTTTTTTTTTTCTTGTGCT

>trans_s_9546 AY396215|Acanthosicyos naudinianus Ycf5 (ycf5) gene, partial cds; chloroplast

TCCTTTGATGAGATCCAATACATCAACGAAGGGAACCTATTTTGTAAAGAAACACTTCCTTTTTTTCTTCGAAGAAT
TATTATAAACTCTGGTCAGCCTGGTGGCCGAGCTGCCAAG

>trans_s_9547 AB525650|Jatropha curcas DNA, microsatellite marker JCT18

TAAGAGAGATCAAGAATTCTCATTATTTCTTAGATTCATGGAACCAATTCAATTCATTGGGATCTTTCATTCACA
TTTTTGGCCATCAAGCCAACCCCGCGGGGTAGAATAGTCT

>trans_s_9548 GU478980|Bruguiera gymnorhiza isolate 3496 peroxidase mRNA, complete cds

AGATACAAGCGCCATAAGAACTGCATTCTTGGCTTAGAAATATTTCCATGACTGTGCTGTTCAATCCTG
TGATGCCTCTCTGCTGCTGGATTCAACAGAGGAGGTTTCAC

>trans_s_9549 AY143800|Arabidopsis thaliana At2g23090/F21P24.15 mRNA, complete cds

AATCTATAGAGAAGAACATGGAGAAGCTGAAAGCTTCTTCTAAGGGAAGTCAGCTCGAAGCAAACAAGAAAG
CAATGTCTATTCACTGACTGTCGCACATACAAATGTTTACAGT

>trans_s_9550 NM_180432|Arabidopsis thaliana GLU1 (GLUTAMATE SYNTHASE 1); glutamate
synthase (ferredoxin) (GLU1) mRNA, complete cds

GTGATCACTGTCATACACCAAAGACAAGGCCTTTAAGATGTGGCAATGTTGGAGAATACCCATCAACAACATC
TGCTAGTGGTCTCCAACGAATGGGATCCTCACACCTTCTC

>trans_s_9551 NM_001064944|Oryza sativa Japonica Group Os06g0687700 (Os06g0687700)
mRNA, partial cds

AGTGTCATTCCACGGATGGTAGAAGACAAGCATATGCAGAAGCAAAAGCAAAAGCAGAGGAAGAAGCCAT
GAGAATTGCTGAAAAAGCTCGTGAGAGAGAATGAGCCTCAGAC

>trans_s_9552 GQ487332|Cucumis sativus metallothionein-like protein type 3 (MTP-3) mRNA,
complete cds

AAGTGAGACCATTAACAAGCTATTTGTTTTCCCTTCTTGTCAACTTTTTAGCTTCTTCACCATGTCGTCATGTG
GCAACACGCTGACAAGGCTGTTCTGGGTACGCACAACC

>trans_s_9553 NM_001054762|Oryza sativa Japonica Group Os02g0767000 (Os02g0767000)
mRNA, complete cds

CAGATAAGTCAAATATCATAATCTTATCCATTGACGTCGCTCTTCTTTCCAGCTTCATCTCAAGTTTCCGTAT
AGCTGCATCAGCTTTTGCTTCTGTAGATTTTCCCATG

>trans_s_9554 Novel Gene

CAAGGTCTTCACTCTCACTTCACTCCTTCTTACAACACTTGGAGGACGGTGCTGTTGCGAAAGCGGATGA
ATTACGAATTAGGGATGGTGGGATTTTATATTAATAACA

>trans_s_9555 AB524715|Forsythia x intermedia FkUGT7 mRNA for UDP-sugar:glycosyltransferase,
complete cds

ACCGGTTCTGCATCTAATAGTCTTCCATGCAAAAGGATTTCACTGGAAGGTGACGATGGGAATGCAAGTGGC
AAGCGAATTAAAGTTTCACTGATGAAGCTTCTGATTCTGTA

>trans_s_9556 EF135608|Codiaeum variegatum 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATGAACCGAACGCCGGGTAAAGGCGCCCGATGCCGACGCTCATCAGACCCAGAAAAGGTGTTGGTTGATA
TAGACAGCAGGACGGTGGCCATGGAAGTCGGAATCCGCTAAG

>trans_s_9557 Novel Gene

CCGGTTAGTCATGGAGAAAGCCGTCAAGGATTTGCAAACAGCGATGCAGTATTTTCGGCTCCGAGCGTATGAA
TTCTCACCATCTTGTTCTGCTCAGAGCCCAGCATGAGTCAT

>trans_s_9558 GQ997667|Nerium oleander voucher FLAS:W.S. Judd 8076 photosystem II protein
D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

TGGATGAGTGCTCTTGGAGTAGTTGGTCTGGCCCTGAACCTACGTGCCTATAGTCCTACCCTCTGAAGGGCTT
ACATGATAAGGAGCTTCAGGCCAGAGTCCCTCGCGTTGGG

>trans_s_9559 NM_104681|Arabidopsis thaliana SNL5 (SN3-LIKE 5) (SNL5) mRNA, complete cds

TGAGAGCTCTTCTTGATACTGGGTATCTGTCACTTCTGGAAGTGAGGATTACTCCTTTAAACATATGCGCAAA
AACCAGTACGAAGAGAGCCTTTTCCGATGCGATCTGCTGT

>trans_s_9560 NM_001066812|Oryza sativa Japonica Group Os07g0616600 (Os07g0616600)
mRNA, complete cds

AGTTCTAGGATCAGTAAGTATAAGAAGGCGTGGCTCGTTGAATGATGTCTGAAGCTGATTGGTGAATGTTCCA
GGAGTGTGCCTTCCAGCAATAGCATGAGCACCAGTGTGCTG

>trans_s_9561 NM_001064048|Oryza sativa Japonica Group Os06g0320500 (Os06g0320500)
mRNA, complete cds

ACAAGGGCAAAGGGAGGAAGAGATGAGAAAAGAGGAGTCATCGGAAACAGGGGAGATCGGAGTTCGAGT
ACCGTTTGTCTTTAACGCCGTCTTGTTGGGCGACCACCCCT

>trans_s_9562 XM_002305653|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

TGGCAGTACCACTTGGGTAAGTCAACTGAAATCTACGATCATTATCTTCCGTAAAGGAACAACCGAGAAGAG
GCCGAGAAAGCTGACGATGAAAAGAAAACCAATTATCCATC

>trans_s_9563 XM_002329656|Populus trichocarpa argonaute protein group (AGO911), mRNA

TGTTCAATGGTGGTACTGTTAACAACTGGATGTGCATTAATTTCTCTCGCTATGTGCAAGATAGTGTACTCGT
GGCTTTTGTATGAACTTGCTCAATACACAATGTAAAGAC

>trans_s_9564 AY727972|Empetrum hermaphroditum 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCCCTAGTAACGGCGAGCGAACCGGGAAGAGCCCTCGAACTCTTAGCTCGCAGGAGCTGCAGGCTTAACATC
TCTGGAGAAGCGTCTCAGCCCGCTGGCCCGTGTTCAGGGG

>trans_s_9565 EU835678|Glycine max alcohol oxidase gene, partial cds

CGAAGCTTATGGAGCAGAAATCACCCGGGGATAACCATGGAAGAAAGCTGGAACACAGTCCTGGCAATGAA
GAAGGAACCTCTGCCTCAAACCTCAGCAACGATCCAGTGGCTG

>trans_s_9566 AF123682|Hemimeris sabulosa NADH dehydrogenase (ndhF) gene, chloroplast gene encoding chloroplast protein, partial cds

TACTAGTTCGAATTTGATCCAAATTTATATTTTTGGGAATTGGTTGGAATGTGTTCTTATCTATTAATAGGTTT
TTGGTTCACTCGACCTACACGCCGTCCGTGAACACTTTT

>trans_s_9567 BT005872|Arabidopsis thaliana At5g22340 gene, complete cds

TTCGACTTCCAGCTTACGCCAGCTATGCTTGGGATGTTTCGTCTATAAAGCAGCTGCACTTGTTCAAGTTTACAG
GGACAATGACAACTTGAGATTGGTCTTTCCAGAAAATGAT

>trans_s_9568 NM_001050908|Oryza sativa Japonica Group Os01g0769900 (Os01g0769900)
mRNA, complete cds

GGTTTTTTGTCTAAATCAAATCCAGTTACTTCCTCGTCAGGTTCTGTCTGATAAACAACTACTGCGAAGTATC
GTCTTTAGGCTCTTCAATAAAATCCTCGGAAATTCAGA

>trans_s_9569 FJ581426|Glycine max branched-chain amino acid aminotransferase mRNA, partial
cds

ACTGGAAGTGTA AAAACCATTGGCAACTATGCGGCAGTCCTGAAGGCGCAATCGGCTGCAAAAGCGAAAGGC
TATTCTGATGTTTTGTACCTTGATTGTGTACATAAAAGGCTA

>trans_s_9570 NM_130073|Arabidopsis thaliana RNA polymerase II transcription factor/ protein
binding / transcription activator/ transcription regulator/ translation initia> (AT2G45100) mRNA,
complete cds

ATACTGTGATATGTGTGGGAAGGTGTTGGATTCTTACAATTTCTCCCAAGATCCTACTTTTACAAAGGATTCTG
GAGGGCAGAGTCAATTATCAGGAATAAAACAGAGACCGAG

>trans_s_9571 DQ912946|Gossypium barbadense PDF mRNA, complete cds

ACAAGCACTCTCAAACACACGAAGTATGGCCTAGGAGCACTTTACCGAGAAGGAGCTGCGGCTTTCCTGAAC
TCCATGGTCAACAACAGTGCAAAAGGACACCAACCGACCTG

>trans_s_9572 NM_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,
complete cds

AGCACCTAAGTGAGGCATGGCGATGTTGGAAAGCAAATATTCCTTGGAAGGTTCTGGTTGCCAGTTCCTAT
TGAAAAATATGATTCTTCGTTACGTCAAGTCAAAAGCTGATT

>trans_s_9573 XM_001783075|Physcomitrella patens subsp. patens ERL1a AtERECTA-like receptor
S/T protein kinase protein (ERL1a) mRNA, partial cds

GTTACATTTGGTACCTGAGCAAGTTGGAAGGTACAGTAATCAGTGACACAGTACATCCTGAAATCATCTGGAA
ATCATAAATGAAATTGGAGAAAGACATGGTATTTTATAGTA

>trans_s_9574 XM_002878521|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2219, mRNA

CCCCACTGGTCCCTGTGCTGTAAGACAACAAGTAAGGGCATCGACTCATGACAAAGCCCATCCAACCATCTCT
AACTCCATTACTCTCCAAGTAGTCCACAATCTCATCTAATT

>trans_s_9575 NM_001056471|Oryza sativa Japonica Group Os03g0314800 (Os03g0314800)
mRNA, complete cds

GGTGCACTCCCAAACGGAGTCAAGCAAAGATTAAGGATCAGTCTTATGCCTGTCTGTACGTCAACTCGTTCCT
GCAATGTGTAATCTCCTGTGATCTTTCCATAAGCTCTTAAC

>trans_s_9576 AY525163|Cucurbita pepo omega-6 fatty acid desaturase (FAD2) mRNA, complete
cds

CTACGGAGTTCCACTTCTGATCGTAAACGGATTCTCGTCCTAATCACATACCTTCAGCACACTCACACAGCACT
GCCCCATTACGATTCTCCGAATGGGACTGGCCGTCTCT

>trans_s_9577 AF509870|Petunia x hybrida nam-like protein 7 (NH7) mRNA, complete cds

TTGGTTCTCTTCCAACTTGTGGGCCTTCGTTGAGTCGATACCAACCACTCCCGCATCAGCTTCAGAGAATGTCA
ACCGCGCTAACTCGCCTACAGATCGAAATCGTCTAACTC

>trans_s_9578 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

GCGAACTCCAGGCGAATATGAAGCGCATGGATACAATGGCGTAAGGTTCCGTCCCTCACCGGCCGACGGCTA
GGGTCTCGTCTTGTTCCTTCGATATTCATTACGTTGATACTT

>trans_s_9579 DQ414893|Disa bolusiana voucher Bytebier 2142 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2,
complete sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACCAACGGTTAGGATAATTGCCTTCCAAAGCAATAGACCCGGGTTCGAAGAAGGGGTGATCCACTACGCCTT
GGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGAATGAGGACAGGACA

>trans_s_9580 NR_022701|Arabidopsis thaliana (U4.2) ncRNA

CCCTAAAGCTAAGACGGCAGCCGGTGAAAGTGAATAAAATTAAGCTATTGCTGGTTGAAAATTTTCCAAA
CCCCCTTTTCCGGACCCGAGGGGGGGGGGAAAAACAACCA

>trans_s_9581 L42851|Prototheca wickerhamii large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial
sequence; chloroplast gene for chloroplast product

AAACCGATGCAAACCTCCGAATACCGATGAGTACTATCCGGGAGACAGACTGCGGGTGCTAACGTCCGTAGTC
AAGAGGAAAACAATCCAGACCGCCAGCTAAGGCCCCCGCCCA

>trans_s_9582 Novel Gene

ACGAGATTTGGTGTGTTGTCATTTAGAACCACTGTACTCGATGATGTTTGATATTCCAAAGAAGATGCAATT
TGACCTTATCCTTTGAGGTTGGGAGTTTGTGAGGAGATG

>trans_s_9583 Novel Gene

CCGCCTCTCTCTTCTTAACCGCCGCCACCGACGGAAGACCGCGGAGGCTTTCGAGCATCTCGGCACGT
ATCGTCATTCACTCAGTCTTTGATTGTCACATAGTCTGCGT

>trans_s_9584 FJ050224|Pinus taeda isolate 6591 anonymous locus 0_1291_01 genomic sequence

ATCCAAGATCAGAACGAGCTTGCCGGCGGACCATTGCCGTCCATTCTTGAGTGAGCTGGAGCGCAGCCATCT
TATCCACTGAACTAGCCTTAAGCTAAATCTTCGGGTCGAGA

>trans_s_9585 AY065654|Pisum sativum ultraviolet-B-repressible protein mRNA, partial cds

TGATGACTTGAATAGGGACGGGATCGAAATTGGCGACGCCGATAACTGCACCTAAGATAGCAGTGACGACTA
CTCCACCAGCAGCAATGCTGAGCAAGAAATTCTTGAGAGAGG

>trans_s_9586 GQ998705|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 RNA polymerase beta'
subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

AAACGGAGTAGGGACCTAAAAGATCGAATGGAACGATACAAAGACAAACAAGTAAATCCCTTATGAATTCCA
AGATACACTCCTTATTAATTTTCATTAAGGGGATGACGATAA

>trans_s_9587 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds,
haplotype: S4

GTGGGTGTAGGAGTTTGAGCGCATCTTTTCATATCGATCAAGCGGGTTTCCTTTCATTTTCCGGAAAGCCTAC
TATTCCAATCTAAGCTAGAGGAGAAGCTCAAGCCCACTCA

>trans_s_9588 FM992583|Zygnema sp. ASW07067 chloroplast partial 23S rRNA gene, strain ASW
07067

GAGAGCGAGACAGTGCCCAGAGTGCTCTACCCCCAGTAGTATTCGTCCGAGGCGCTACCTAAATAGCTTTCGG
GGAGAACCAGCTATCTCCCGGTTTGATTGGCCTTTCACCCC

>trans_s_9589 M16058|Cucumber LHCP mRNA encoding chlorophyll a/b-binding protein, partial
cds

GACAGCTTGTCTTGAGCAAAAACGTAGGGGGAGCTTTGGGGTGTGTCTTCCCTGAGCTTTTGTCTCGCAATGG
TGTGAAGTTCGGTGAAGTCACACAACCAATGTTTGTCT

>trans_s_9590 GQ998576|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 5S ribosomal RNA (rrn5)
gene, complete sequence; chloroplast

CGACCGCAGACCGGTTTGTTCGGATTCTGTTCTCGGGCTGATGGTGGGGGTTCTCTTCACATTCCAAGTTC
GGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGACACCCAG

>trans_s_9591 CP001574|Micromonas sp. RCC299 chromosome 1, complete sequence

GATGGACAGCGATTAGATGCAGCACAAGTGAAAGAGCAAACGAAATGAATTATTACGCAATGCCGTTAATGA
CTTCTACTCCATCTCTTGCGCATCATAATGCGACGCCACCTG

>trans_s_9592 EF592559|Glycine max V-H(+)-ATPase subunit A mRNA, complete cds

TGGGCTCTTTTCTCTCGTCATTCAGCCGATTGGGCTGTAGAAATGAATGATATTACGCATCATCCAGACCGACT
TGTAGAATGGGCAGAATTTATCGTACGGAGTAAATGCATT

>trans_s_9593 XM_001692273|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GGGTGCAAACGACTACGGCGAAGCGATTTCCGATGTCGGTGATATGGCGGCTTATGATGCCGGATACGATGC
TGGTTTTGGTGATGAGCCCAGCCCCGCAGGGAGTAGGTGGT

>trans_s_9594 NM_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

ACCACCTCCACTTGATGCTGCATACCAGGAAGCTCAAGAGAAGGCTGGTGGTTGTCCCATTTTCTTTCTTTTC
GGTCAATACCAGTGGGCACGGGTGGTTAGAACGTGAGAC

>trans_s_9595 Novel Gene

TTTCAGAGGTAGGGAATCAGCTCAGTGAGCTATTTATTGCCGCCAATAGCGCTTCGCTTGACGCCAGCGCCA
CGCCTGGTAGAGCTCGATATATATCCGCTCAAGAGCGCATG

>trans_s_9596 DQ296647|Aristolochia bracteolata trnK gene, partial sequence; and maturase K
(matK) gene, complete cds; chloroplast

AAAACTATGTGGGGCTACCTTGTTGGGGGGATATCCATGCTTTTTCTTTTTCTTCTACTACGTCTACTGTGGTG
TGTGTGTGAGTATGAGATGAACCACTGGGAGCGTGCGTA

>trans_s_9597 Novel Gene

CTGATATTCCTCTAACTCTTGCATCGGCAACATCGAATTCAAGGGATGACCTCTATTGACTTATTTGACCTATCA
ACCGCTACGTGGGCAACCGGACCGTCAATATAGACTGAC

>trans_s_9598 XM_002507801|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8 alkaline phosphatase
(MICPUN_60561) mRNA, complete cds

GACCCCACTATTTTCGCTCCGAGGTGGTCCCGGAACACGCAGGACCCTGCGCCCCGCTCCCGGATGAGGATG
AAGTAGCGAGAGCCTTGCCCGGTCCGAGTTAGCTCGAGTCA

>trans_s_9599 AY727972|Empetrum hermaphroditum 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCCCTAGTAACGGCGAGCGAACC GGGAAGAGCCCTCGAACTCTTAGCTCGCAGGAGCTGCAGGCTTAACATC
TCTGGAGAAGCGTCCTCAGCCCGCTGGCCCGTGTTCAAGGG

>trans_s_9600 Novel Gene

GAAAGCTCGAACGACCTTCAACAGGGAAACGTTACGTTTAGGGTTATCTGTTCCGTGTTGACCAACACTAAC
GTGTGCTACACCTAGGTTACAGACCAACCACGCAATCTTTG

>trans_s_9601 AY109340|Zea mays CL5298_2 mRNA sequence

AGGAAGGTTGATATATCGGATGAAGTACAGAAGGAATGCGTAAACCAGATGATTGAAGATCAGGAGCCTTTT
GAAGGGGAGGCTTTGTTGGATGCCAAATGCTTTAAGTGATGA

>trans_s_9602 Novel Gene

CTACAGTTCTGAATCTGCTAAACTATTTGATAAGATTGCCTGTGGACCCAGAATTCGATCTAACAAAATATAG
TCAAATCATCAAGTTTGCTACTTTTGCTTACGCAGATGCA

>trans_s_9603 Novel Gene

GCTATGAAATGGAAGGTAGCTTAATAACACAACCGTTATTTTAGACAGAACCGGACTTTCGACCAGACCGCTA
ATAGCCGGTTTACAAATTTATATATATTATTATTATATATCCC

>trans_s_9604 XM_002308247|Populus trichocarpa nucleosome/chromatin assembly factor group
(NFA902), mRNA

GCTTACAGCAATGAAGAACAATGAAGTATTAGCTGAGGAGATTACCGAGCGTGATGAAGGAGCACTCAAATA
CTTGAAAGACATCAAGTGGTGTAGAATAGATAATCCCAAAGG

>trans_s_9605 X67028|P.hybrida mitochondria genes rps19, Yrps3 and Yrpl16

GGGGGAGCAGAGCAGTCAAAGAAGAAAGCAAAGAAAATGATTGTTCTCAAATGGCTATTCCTCACAATTGCT
CTTTGTGATGCAGCGGAACCATGGCATAATCCCAAAGTTCTG

>trans_s_9606 GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

AGGAGAGTCAAGTCAAGGGGGAAGGCCATACCTACATAGAAGAACCGCTGTTTCGTTGACTTTCTAAGGTCTA
ACCTTCGCTCCCCTACTGAACCAAGTTCCCAACTTGGTCCA

>trans_s_9607 NM_104509|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing
protein (AT1G56300) mRNA, complete cds

TCGAGGACCTCCAGAGGATGTTTATGGAAATGGTCGGTTCAGATGGCGTGGGAATGTTCAACATGAACGACA
ATCCAACGGCCTCCAAGAGTAACACAGGGTTGCCCTTGTTA

>trans_s_9608 D79217|Cucumis sativus CR20 gene for noncoding RNA

TAGTGTGTGGGGAGGAGATGGAGAGAGGCACTCTCAGTTCGTCTATCTTCAACCGCCATCAACTGCTTCTTGG
ATTTCTCTGATTCGCGCCGCCGCGCCGAGCGTTTTTCTC

>trans_s_9609 NM_125799|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related
(AT5G64030) mRNA, complete cds

GGAACCATTTTGCAGCCATGAAAGAACTGACGAAAGCAATGTGCTGGGAACTTGTATCAATTAACAAGGATA
CAGTGAATGGCGTTAGTGCAGCCATATATAGGAAACCTACTA

>trans_s_9610 AY338256|Pyrus pyrifolia synptobrevin-related protein mRNA, partial cds

AGGGGGAAAGGCTTCCACGGCTCCTGCTAATAGCCTTAACAAGGAATTTGGGTCAAATTAAGGAACATAT
GCAGTACTGTGTTGATCATCCTGAAGAGACTCTCAAGCTTGA

>trans_s_9611 CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

CGACCGACAATCATTCTGCAGCTTCGTCCTTCATTCCGACATCAAACCTTACCGCACCACCCTTCAAGTCTTTCA
ACTGCCAGTACTCTTCTGGCCATGGAGCCATTGGATTGT

>trans_s_9612 AF134732|Prunus armeniaca 60S ribosomal protein L1 mRNA, complete cds

ACCTCCAAGATGCCCCACCAGGAGCAAGCTTCAACAAATTAAGCCTCTCGACGTTAGCAATCTCAACTCCAGG
AATGTTACGGAAGGCCTTAACAAGCTTTGCACCCTCAGCTC

>trans_s_9613 NM_001061297|Oryza sativa Japonica Group Os05g0169400 (Os05g0169400)
mRNA, partial cds

GATGCATAATGATCAGGTTGTCGTTGGAAAGTTTGTGTCAAATCTCACAAAAGTGAATATGACAAGTGGTTTG
GAAATTAAGGCTCCTCGTCTTGTGTATGGAACGGCAACTCG

>trans_s_9614 AY792593|Cucumis sativus ethylene response factor 1 (ERF1) mRNA, complete cds

CCTCGAATCACGTTCTGTATTTGATGCGGCTCTACGTACTGGAATGATCAACAGTCATCCGAACCAACGGCTA
CACTTCGACCGTATTCGCGGGATAACAGACAGCCCTTAGG

>trans_s_9615 AF532601|Triticum aestivum multidrug resistance associated protein MRP2 mRNA,
complete cds

CCTCCATTACATTTGCTTCCTCTTTAATCTTTTTGATATCTATCCCTGTGGGAGTCATTGATCCAGGCATTGCCGG
CTTGTCTGTAACTATGGACTTAACCTCACGCGTGTCA

>trans_s_9616 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

GTTGGCACATAGAAAAAGGGCTGAAGAAACCAGTCCATGACTTAACATCAGTAAAATGCTACCTCCAATTCCC
TGTATGTTGATAGAGCCAAAGATTCCCCCCCCACTGATACG

>trans_s_9617 EF207456|Ribes americanum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGATGAATAATCATCCGCTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTCGGGAATCCTACAAGATCCATTCGTTCTTTT
TTCTCTGACAGATGGTCAGAACTTCTCGCAAACCTAGGCT

>trans_s_9618 AY635050|Solanum brevidens S-adenosyl methionine synthase mRNA, complete cds

CGAATTCTTTCTCTCTCCAGATCTACGCTGCCGATTTTCATCAGAGATGGAGACCTTTCTATTTACCTCTGAATC
CGTAAATGAGGGTCACCCCGTGTTTCAGAGTGTCAACTCG

>trans_s_9619 NM_001189339|Oryza sativa Japonica Group Os10g0556801 (Os10g0556801)
mRNA, complete cds

AGCACTTGTTGGGCTTTTACAACACACCCGTAGGGTTAAGATGCCATAGCTGGAAGATCAATTCCTACCAAGA
GGATTTCTCAACATCAATGGGAAGACTGAAAAAGAACTTC

>trans_s_9620 Novel Gene

GTAGTAGCTCTCGTTAAGTCGGAAATGGAGCAATCGCACAGTGCGTCCTGAAGGCGTATGAACAAGTATGCC
AGAGCTTATTGAAGGCGACTTAGAGAGGGAGTAAGAATAAGA

>trans_s_9621 X54738|L.esculentum mitochondrion coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

CGTTAGTGGAGAACAGCCAACACAAAGATATAGGGACTCTCTATTTTCATCTTCGGTGCCATTGCTGGAGTGAT
GGGCACATGCTTCTCAGTACTGATTCGTATGGAATTAGCAC

>trans_s_9622 AY586361|Fagus grandifolia NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial
cds; chloroplast

ATTGATAAGGACATATTAACCTCTTCCATGAATGAGTCACCTGGACCTTTGTTTTGGTTCTACGTAGCTGAATT
TTCTCCATATTCACCTTTTTTCCCTTCTGCCGGCTCGA

>trans_s_9623 AF082030|Hemerocallis hybrid cultivar senescence-associated protein 5 (SA5)
mRNA, complete cds

ACTCAGATTGTCGGCAGAACCACTTTATACAGAATCGCGTCAGGAACAACAAAGATTGGAACAGAATCAGAA
GCTGTTTAGTCGACAATGGGGTCTGTGCCCTTAAACCAAAGA

>trans_s_9624 NM_001074045|Oryza sativa Japonica Group Os11g0217500 (Os11g0217500)
mRNA, partial cds

GTTACCAAACTTTTGAAGGAGTTCATACCGAGGCTTTCTCATGATGCTGATGGTCTAATATTTAGGGTTGGGA
TGATGCTTATGTTCTCGAACACATGAGGGTCTTGCCCT

>trans_s_9625 Novel Gene

CGAGGGACGGAGGAGGGGAAATGAAGACAAATTGAAATGTTCAACAGAGGTAGATGTCGCATCAGGTCTCG
CCCATGTACTGACTCAGCTTTCGCTCCGCTCCTGAATAAAACA

>trans_s_9626 Novel Gene

GCGATAGCTTTGCATCACTCGCTTTCTTCTCGTGCCTGACGTGGTGATCCAGATCTTGATTTTGACCGTGGCCT
GAAGATTTAACAGGAGATGGAGATCTCGATCTTGAACT

>trans_s_9627 NM_001036666|Arabidopsis thaliana emb2726 (embryo defective 2726); RNA
binding / translation elongation factor (emb2726) mRNA, complete cds

TAAGGATGTGGCAAGTGTTGTTTCTGTCGGGCAAGAGGTGAAAGTAAGATTGATTGAAGCAAATGCTGAGGC
TGGACGAATTTCTCTCTATGCGTGAAAAATGATGAAAGGAA

>trans_s_9628 XM_002864477|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata xylose isomerase family protein,
mRNA

TGTAGGCAACGGCAGCTTGGAAAAACCTAGCCATATGATCAAGCTCTCTCCCCATGTCAGTGTTAGTAGAGT
CTGATAACCCTCACGACACCCAGAATACATAGTTTGCTG

>trans_s_9629 AF067860|Solanum tuberosum lactate dehydrogenase-2a (LDH-2a) mRNA, partial
cds

AAATCAAAGATAAGCCTTGAATTTAGCAATGAAAGACGCACGTACCGGTGGAAGCCAAGTCACCTCGACCA
CTCGGCGCTCACGACACCCGCCTGATTCACTCACCTCCTTGG

>trans_s_9630 XM_002884560|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L29, mRNA

CGAAGAAACACAATAACAAGAGTGGGGAAAATGCTTCTGGGGAAGAGTAAAGTAGCCGCCGCCGATTAG
GGTTTTATTATTCAAATTTTGTATTGCTCTTGAAAAACCC

>trans_s_9631 NM_001067092|Oryza sativa Japonica Group Os07g0664200 (Os07g0664200)
mRNA, complete cds

CAATCAGCCAGAGCCAGTTGGGGAGTATCAAACCTACGATAAACAGAAAGGAAGAGTTTGAGTTTAATGGTGG
ACACCCCTTCGGGGCCCCGCAGGGTGGCTTGTCGTGCGCGTCCT

>trans_s_9632 AY104581|Zea mays PCO117879 mRNA sequence

GCAAAACCGATGCGTTCAAGGGTTTACGGAAGCATCTTTTGGAGGAACTCGAACAAACATTTCTGATGAAGT
TGAGTCTTACAGAGAAGCCTACATCAGAGAGTAGTAATCCT

>trans_s_9633 DQ399826|Lycopersicon esculentum GRAS4 (GRAS4) mRNA, complete cds

GAGACTCTGCAGCAGCCGTGAAAAATAAACTGTATTGTTTTGGTTTATTTATAGATCGTTCTGCAAACT
TTTTTCTTTTATTTTGGGGGAAAATAGGGTCTCGTCCCC

>trans_s_9634 D55647|Cucurbita pepo mRNA for catalase (cat3), complete cds

ACCCAACCCGAAATCCCATCCAAGAACCATGGAGATTCTGGATTCTGCTCTTACCATCCCGAAAGCCTTC
TGTCTTTTGAGGTTGGGGCATTGGACCAGGGCAGAGGTCT

>trans_s_9635 NM_001111485|Zea mays cellulose synthase5 (cesa5),
mRNA gb|AF200529.1|AF200529 Zea mays cellulose synthase-5 (CesA-5) mRNA, complete cds

CATCATTTGTGAAGGAGCGGAGAGCAATGAAGAGAGAATACGAGGAATTTAAGGTCCGCATCAACGGATTA
GTGTCGAAAATATGAGGGTGGAAAGTCTCCTTCGTTTGACGTA

>trans_s_9636 Novel Gene

CAGTAACAGTGTATGAAGAAGAAGAAGATTAAGCAGTGGAGGATTGAAATGAGAAGTTGATGATGGGAAAG
CAAAATGGAAGGATTGAGAAATTTGGCGTGACGCCAGGCAGA

>trans_s_9637 XM_002867970|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata dehydration-responsive family
protein, mRNA

AGAGAAATGTATTAGCCATATCGTTTGCACCGAGGGACAATCACGAAGCACAGATACAGTTTGCACTAGAGC
GTGGTGTGCTGCTTTGCGGTTATGTGGTTTGTATATGGCC

>trans_s_9638 DQ399793|Phoenix dactylifera elongation factor 1-alpha mRNA, partial cds

CTGGTACAAGGGACCAACCCCCTCCAGAGGCCCTCGACCTGATCCAAGAGCCTAAGAGACCATCTGACAAACC
CCTTCGTCTTCACTTCAGGATGTCTACAGGATTGGAGGAA

>trans_s_9639 NM_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,
complete cds

CAAGATTAGAATGACTCAGGAAGCATTAGCAACACAAAGGATGGAGTTTGAATCTGCAGAATGAACAGAC
GAAGAGGGAGGTCATCACGATTCCTCCGAAACCAGCAGTAG

>trans_s_9640 XM_002888746|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

CTATTGCGCTGTACTCTAAATCCAGCGTGAATGCACATCGTAACTGGTCAGGATCAGCTGATGATGCTAGTGT
TGGGTCCATGATCTCCAACCTCCTTCCGAAGATGTATAGT

>trans_s_9641 AF367313|Arabidopsis thaliana AT5g04550/T32M21_140 mRNA, complete cds

GAAGCTTGCTGCATCTCCTCATTTGATTGGCCTGGATGCTAGAGATGATTTATACAATATGTTGCCAGCCAAAG
TTCGAGCTAGCCTAGAAATGATTTCTGGAGCCAGCGTAGCC

>trans_s_9642 AY110158|Zea mays CL11825_1 mRNA sequence

TCCGAAGAATAAGGAGCAACCAAATGAAGTTCCACATGAGAAAGAATCAGAAGTTATAGCAAAAGATATTGA
TGAATCCTTAGTACCTTCCAAGGACATGGAAGGGCCAGTTGA

>trans_s_9643 HM747792|Solanum santolallae voucher PTIS:PI 195168 marker COSII_At2g38020
allele 1 genomic sequence

CAAGCCAAAGCCACCGGTTTACAAGCCAAAACACCTGTTTACAAGCCTCCAACACCACAAAAGCCAGAGTCT
CCTCCATATTATAAGCATCCATGGTAGACCATCTCATGATG

>trans_s_9644 NM_123089|Arabidopsis thaliana WSD1; diacylglycerol O-acyltransferase/ long-
chain-alcohol O-fatty-acyltransferase (WSD1) mRNA, complete cds

AGGATTTAGCTGATATGATGAAAGGAAACAGGGGATCTCGATGGGGTAACAAGTTAGGAATTCTTCTCCTTCC
TGTGAACTATTACAAGAAAACACTTGATCCTCTTCAATACG

>trans_s_9645 XM_002893561|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATINT2, mRNA

AAATTGGATCTCAAACCTTATTGTTGCTCAGTCTTTCTTATCCCTAACTCAATCAATTGGGCCTTCATGGACATT
CTTAATATTTGGATTGATTTTCAGTAGTAGCACTTTTGCC

>trans_s_9646 NM_001067767|Oryza sativa Japonica Group Os08g0205200 (Os08g0205200)
mRNA, complete cds

ATACATATGGTGTATTGATGTTTGGAACCGCAAAGTAAAGCCTTGCACTTGCTCTCAGACCGCTTGCATCTTG
TGGGTATATTGATTTTGTATAATCCTCAAAACTGAAACG

>trans_s_9647 CP000594|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 14, complete sequence

CGTAGGCCTCCCTCTCGGTGATGATGAAGTTATGATGACGAGTCCGATCTCTAATCCATTCACCCCTGACGACA
AAGTAGAATGCCCACTCAGAGAGGGAAGCCCCTAGGGGTT

>trans_s_9648 XM_002892586|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

GTAAATATTCCATTCCATTTTCTTTCAAGCTTTGTTACCCCTAAAAAACCTCTAACCTACGTCAATGATTAAG
TACTAGACCGTACATGTCTTACTTTTGAAGACTCTGTC

>trans_s_9649 XM_002889645|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

CAATGATCCAACAGTCTAAGGAGAAAGGTAGATTCTACAAATCTCAGCAGAAGAAGGTTTTGGAGTCGGTC
ACTGAGGTCAGTGACATTGATGCTGTTATCCAACAACGTGAT

>trans_s_9650 AB112671|Cucumis sativus CsARF1 mRNA for auxin response factor 1, complete cds

AGAAGATCCTCAACGAACTGATTGGAACTTGTTTATGTGGACCATGAAAATGATATACTTCTAGTTGGTGAT
GATCCTTGGGAGGAGTTTGTGAGCTGTGTTTCAGAGCATAAA

>trans_s_9651 AY566627|Camellia japonica RNA polymerase II second largest subunit (RPB2) gene, partial cds

CAGAACTCATTTTCATCCTTCTTCATCCCCGAACAAGCTTGCCTTTTCTTGACTGAAATGATTCAATCTTCTTTC
GAGAAAGCACTTTTGCTTCTCAATTCCAATTCTTCTAA

>trans_s_9652 NM_001053118|Oryza sativa Japonica Group Os02g0288400 (Os02g0288400)
mRNA, complete cds

GCTTTCTTCTTCGTATGAGATCTTTCGTGATGTTTCGGAAGCATAAGAAGAATGATCAGTTTCGTGAGTCAC
TTCAGAGTGCTCTTCACACTCAAGTGTGCAGTTCGCGCTC

>trans_s_9653 EU002546|Suriana maritima RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

CGCACTATGCCCGTCCAGCCCCTGCCCTTGTTGGTGGAATAGTGACGTTATGTATAATATCCTCACTCTCAAT
AGTTACATACAAGTCTATATAACATAAAAAAGCAGGATGC

>trans_s_9654 AF476960|Aegilops markgrafii HMW glutenin subunit (Glu-1Cy) gene, complete cds

AATGGCAGCAGCGGCACTAGCGGAGAGGAAAAGACTGGCAGTGGCGAAAGCAGTTGGTGGCGACACAACA
ACCCTACCTATGGACACACCTGGCGGTGCAACACAACCCCCAGG

>trans_s_9655 AB182935|Citrus lanatus mRNA for Csf-1 protein, partial cds

GAGGATAGCTCTTGGGAAGAAAATTACTTGTGAAACAAAGAAGGGCATCACTTAATGATTCGATAGGTTC
AAGCTTATGCTGGCTAAGCGCCCTCTGATCAAGCTGGTGAGG

>trans_s_9656 AY042810|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F10B6.14) mRNA, complete cds

GCAGGGGAATCGCCCTTTGAATAAGGAGATATGTAATAACTCTGATGAGCACTCGTTCTTTCCATCGGAGCTT
CCGGCTAGACCGAGAACAGAAAGTGAAGTCAGGGAATTCTCG

>trans_s_9657 NM_001049264|Oryza sativa Japonica Group Os01g0276500 (Os01g0276500)
mRNA, complete cds

ATCAAATCATCTAGTGATGTATAAAAGCATGTGGCAGTTCAGTATGACAAGCAGGCCCAACAGGCTTCCCAA
GATAAATTATAGAATCACGATCACAGTCTAGGGATATGTCA

>trans_s_9658 Y11209|N.tabacum mRNA for protein disulfide-isomerase precursor

GAGGAAGGGTGATCTCTTCCTTGAGGGGAGGAATGAGAAGTGTGAGTTCAAGGTCATAGAAACGGATC
CTGGTGAATACTGTGTTGTTGCACCTGATACCGAGATCTTCTG

>trans_s_9659 M83940|Spinacia oleracea 10-formyltetrahydrofolate synthetase (sfs1) mRNA,
complete cds

AACAGACAACAAAACCTTGGCCTTGATTTGCCATAAAGATCATAGTTGGAATAGATAAAATGTTAAGAACAT
TTCAAAATCAAGCAAGGACCTTTTCTCAAGGGGTTTAAAG

>trans_s_9660 NM_001084046|Arabidopsis thaliana eukaryotic translation initiation factor-related (AT1G11480) mRNA, complete cds

AAGATGAGTGCTCTCCTTTTGC GCCTCAATGATCTTGAGCAGTTCTGAATATCTGATTCTTCTTTAGATTATCT
CCTCGCTCTCTTCTCTTCTAGTCTCGGAGATGACTATA

>trans_s_9661 XM_002879521|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acyl-CoA oxidase 5 (ACX5), mRNA

GAAATACCTGATTGTCCCTTCGGGGACATCCGATGGGGCCAAGGTAGCGTGAGAGGAGCCGATGCAATTTTC
ATATGGAAGCAGTGTATGTGGGCTAGAGGGCAACCCAAAAAA

>trans_s_9662 Novel Gene

CACGGAAATAGTGGCCACACAAAATCGCGAGCACAAAGATGCAGCTTCTCGTGTAGGGCTAACGAAAGCAAAG
AGATCACACCAAGAAGACCTGGAAATTACAGACATTTACCA

>trans_s_9663 XM_001699084|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TATGGGTTTCCGCCGCGCTTCCGGTTGGAGCGCCTATCGCATTTAGTCCGTTCTAGCGGGGCACCCGCCGA
GAGACGTTCCGGCGGTTATAGTATGAAATCGCCAACCGGCA

>trans_s_9664 GQ997940|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 clp protease
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

TGCCGAATCAACTAGCCGCGGAGGCCTCTTTCAGCGTCACAACTTTTTGTTTTACGACGGAAGACTCTTAA
CAATATTTCTGTTATGAAAGACTACGAAATATTTAGAGC

>trans_s_9665 AY728861|Zea mays cultivar GE37 chalcone synthase C2-like (c2) gene, complete
sequence

GAGAGAATGAGCACAGGTTCCACGCCGGAGCTGGATTGCAGGAACTGAAGATTCGGAAGCTGCAACACAGG
GATTTGTTGTTGTCTCACTCCTGACGTGTAAACATGAAGTCA

>trans_s_9666 NM_001065613|Oryza sativa Japonica Group Os07g0187900 (Os07g0187900)
mRNA, partial cds

GCTGATTTTGGTGGTTCGGACATGGAAGTTTTATAAGGGCGATATTTACCGGAGGTTCAGGGCGGAGGAAGG
TGAAGACATCGAAATGAAAATGGCCGCTCCGACCAACAGTA

>trans_s_9667 CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

GGAGGGGTTTGGCCATAACCTACCCGAACAGGCAGCCCGTCCCTCACTCTCGCCACAGCTCAACTACGAGCC
TACCCGAACGCGCCTGTTACGAACGTGGAGCACACAAATA

>trans_s_9668 AF241609|Uncultured chloroplast GU3A 16S ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast gene for chloroplast product

GCCGTCGTACCCCTTAAAAGGCGTTACCCGCTTTCGGACTGCCTCGTGGCGCCGCGTGAGTGATGAAGGTTT
TCGGATCGTAAACTCTGTTCTTAGGGAAGGACCCCTGGG

>trans_s_9669 AY133580|Arabidopsis thaliana At1g47330/T3F24_2 mRNA, complete cds

AGAGGTGGTTGGTGTCACTTACTATGGAGGATGTGATTGAAGAACTTCTTCAGGAGGAGATACTAGACGAAAC
AGATGAGTATGTCAATATCCACAACAGGTACATCTCGTTAG

>trans_s_9670 NM_001059623|Oryza sativa Japonica Group Os04g0477900 (Os04g0477900)
mRNA, complete cds

CATCGCTTCCAATCTTCCAGTGCGATTTTTAGTCTTAGGGTTTTGCTTCTGTATTCTTGTTTTCCAATGACGAA
ACACTCCCACAATTGCGCTTCCTGTAATGCGTCACAG

>trans_s_9671 NM_119156|Arabidopsis thaliana tRNA-splicing endonuclease positive effector-
related (AT4G30100) mRNA, complete cds

CGTCCCGTGCCCTCCCTTAGATATTGTTAGCATAATGAAGGGGATTTTTGGGAGTGCTGCTTATGCCACTATCT
GCTCCTGCTCCGCATACAACCTGCTGCTCCATCCAGGATG

>trans_s_9672 DQ320569|Cucumis sativus acid alpha galactosidase 1 mRNA, complete cds

AATCACTTTGCATGTAATATCAACGAGAAAATGATTAGAGAAACCGCTGATGCTCTGGTTTCCACTGGACTTTC
GAAGCTTGGATATGAATACGTCAATATCGATGATTGCTG

>trans_s_9673 Novel Gene

AGTGACCGACATATTCAATTTTGATGAAGCATTCGCGCTTGGATTGCGCACCCGATCCCTTCGAACCGGATCCA
CCTGGGACCCGGACCCACGACAATTGGTTTAAAAGTTTA

>trans_s_9674 AY103634|Zea mays PCO073309 mRNA sequence

GAAGGGCTTGTTTCGAGGGCGGAGAGTGCTTAATACTGGTTCTCCTATCACTGTTCCAGTCGGTAGAGCTACTC
TTGGACGTATTATTAATGTCATCGGAGAGCCTATTGACGA

>trans_s_9675 EU436414|Neosoma plena maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

CCAGTTCTCTGGGACAATTGACTATGAGCACTTTTTCTTGGCATTATTTACTTTTCTTCTCCGTAGAAAGACCC
AGGAGCGAAGGATTTGAACTAAAATTTCCAGATGGAGG

>trans_s_9676 NM_123697|Arabidopsis thaliana COP1-interacting protein-related (AT5G43310)
mRNA, complete cds

AATGTGCTAAAGATCAGATTTCTAAAGGGGGTACTCCATTACTCTTCGCCAGTTTCAGGATCAAACGCTTCC
TGGTTCACTAAGGGAACCTTCAGTGATAAAGGAGGTAG

>trans_s_9677 FN811768|Nuphar advena rpoTm1 gene for RNA polymerase, exons 1-19

ACAGCTTCGGGCATAATGGGTGACGGCGTACCTTTGTAGAATGGACCGGCGAGTTACGATCCCATGCAAGT
GGCCTGTTCTCACATTCTGGCGTCGCTTCGCTCAGACCC

>trans_s_9678 U60498|Glycine max actin (Soy69) gene, partial cds

ATAGGCAGTAGCCTTTGGTTATATTGATCTGTTGTTGGTTCTTTGGAATTACTTTTTCTTTCCCTTATTTTTTC
GTGTGATGAAATGAAATCGTTCTATTCTAGGGAACCTC

>trans_s_9679 Novel Gene

CAAATACATTGTCAATAACTTTGAGGAGACTAGAAATTCTGACCTAACAAATATGTGGATGCAATGAAACACA
ACAAGAACTGATATTTCTTTGGCTATAAGAATAAATGTT

>trans_s_9680 CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

CCGGAGTTTCAAAAGAGAATCTTCTCGCAAATTCTTCCGCCTCTCCTATATCTGAAACTACGAGTACCTTCGC
ACCTTTCAGGTTTCATATGTCCTTATCAACTCAACTCCT

>trans_s_9681 NM_001068874|Oryza sativa Japonica Group Os08g0532400 (Os08g0532400)
mRNA, complete cds

ACGCCGAGGGACCACACAAGTGCGAGGGTGCCATATGCTTCTTTTAACTTGTATGATAATGGCTGGATTCTG
CGCGATTGCAGGGATATTAAGTTTAATTTGGTGTATCGG

>trans_s_9682 GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

AACACACGCACCACCGGCTATATTTGTAAGAAGATCTAAGGGCATATATATCTACAAACTAGAACTAATATCT
TATGGAGGAGGAAGAACAGAATAGAGTACTAGTAGTTTA

>trans_s_9683 XM_002882948|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

CTATTATCATACTCCATTTAGTAGTCAATGACCTCTGAAGGTTGATACCCCGGTGGCTACTAGTGCCATTCTTT
CTTGATGAATGACCTTGAGCAAAATTACTTAGACCTTG

>trans_s_9684 NM_001188079|Oryza sativa Japonica Group Os06g0728766 (Os06g0728766)
mRNA, partial cds

CATTCTCTTTGGGAACCAAGACACATTATTATGGAAGGACATTGCTTCATGGGGGTGCAGAGTACAGAGGTAC
TGGTCGTGGTTTTGTGGTGTCCATGCCAACGGGTGACTG

>trans_s_9685 NM_001056401|Oryza sativa Japonica Group Os03g0301700 (Os03g0301700)
mRNA, complete cds

ATAATACTTTACGGTGGCGTGAACGCAAAAATCGCAAAGACAGAAAATGCAGTGGAAGGGTCCCAGGAATA
CGCTGGCAGTCAGGTTTGATCAGAAAGTAGTCCTCTCCTTT

>trans_s_9686 HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)
mRNA, complete cds

TACTGGAATGCAGATGTAAGCAGGAGTGCAAGATGAAGCCATCGAACCTGGATGACATGTTTGGATCATT
GATTCTTCCTTATTGTCTCAGTTGTGAATATTCTGCCGGG

>trans_s_9687 XM_002324035|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

CTGTGTCCATATGTGAGAGAACAAGCCAATGTGAGCACAGCAAGACCTGAACTAAGAAAAAAGACCTCCC
GGTGACCCAACTCTGTTCTTCTTTGAAGCCGAACATGAAT

>trans_s_9688 AY727958|Samolus valerandi 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CATAAATCACACATTTACATAACCTCTGTTATGTTACAGAACATTAGTCTACACTTCTTTTAAAGCTTTTCCTGCG
TTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTA

>trans_s_9689 AY573575|Populus tremula x Populus tremuloides cellulose synthase (CesA4)
mRNA, complete cds

AAGAAATTCAATATTGAGCCTCGTGCCCCAGAGTTTTATTCTCTCAGAAGATTGATTATTTGAAGAACAAGGT
CCACCCAGCATTTGTCAGGGAAAAATAGATGGCAGGAGA

>trans_s_9690 NM_001186358|Oryza sativa Japonica Group Os03g0182600 (Os03g0182600)
mRNA, complete cds

CTCCCTCTGACCATAGGGTCGAGCAGACTGAACAATGATATCCTGAGGATTCTCAATACCCACAATAAAGAGG
GCAGCCAGCTGAAGTTTCTCCACGTTTTACCAAGGTAA

>trans_s_9691 XM_002879115|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata VHA-A1, mRNA

AGAAACAAAGTTTTGAAGATCTGTGAGGCTTTTGGAGCAAATTGCTATCCTGTTCTGAAGATGTAACCAAAC
AGAGGCAGATAACTAGAGAAGTGAGTTGCTTTTTGTGGA

>trans_s_9692 XM_002867275|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytosol aminopeptidase family
protein, mRNA

CGAGGAACTCTTCTGAATCCAAGCCTAACTTTGCCTCAGCCATTGCATCTGGGACTATACTGGGATATTG
ATGACACTAGATACAAATCAGAATCCAAAAAGTCTGCTC

>trans_s_9693 EU824139|Populus tremula isolate swl328-64E single-stranded nucleic acid binding
R3H protein gene, partial cds

CGAGACTTCTCGTCTGGGGAGCTGAAGATTCGAGCTCGTGCCCTATCATATTCTTCTTTCTCTTCCCATTGT
CTGACAGAACTTTGTTGTGACCTCCTTCATTGGCAGA

>trans_s_9694 NM_001067832|Oryza sativa Japonica Group Os08g0230200 (Os08g0230200)
mRNA, complete cds

TATGATTGTTCCCCATCCGAACCATTAACCTACAGGATGCCAGTGGGGCAAATTCATTTTTCCAGCTAGCCTTG
ACGGTATCGTCTCAGATGCGAGGACTCATCAAAAGTCG

>trans_s_9695 Novel Gene

ACATGATGCTTCGCCCATCCAAAAGACATCATAAGTTAAATCACACGAGTCCTCTGCAACTGCCCAAATAAAAA
TCCAACAGAGAACTCCTCAGCATGTTATAGTCTAACAAT

>trans_s_9696 XM_002311888|Populus trichocarpa fasciclin-like domain-containing protein, mRNA

ACGATGCTTTAGCTCCAGGCCATCTATCGCTCCGGCACCGGCTCCCGGCCCCGGAGGACCCACCACCACTTC
GACGGCGAGCGGCAGGTGAAGGATTCATCCAAACCTG

>trans_s_9697 AF352249|Lathyrus sativus histone H1 (His1) gene, His1-2 allele, partial cds

TTGCCTGAGAGCCTCCTTTGGTGCCACAGAGGCTTCAGGAACCTTCTTCACAGATGGCTCAGGATGCACAGGA
ACCTCTGGTTCATGCTCATGCTCATGCTCATGCTCGTGTT

>trans_s_9698 Novel Gene

TCTGACCTCCGCTGTATATTTCTTATTCATTACAGAGCCTTCGGCCGGTGCGTGCTCCTTTCTCAAAGCAGAACAA
GTCTGAACCTAACCGCCACGTAACCACCTGAGCGAACC

>trans_s_9699 Novel Gene

AGAGGTGAATTATGGGGATTCACGGGGATCAACGGTTTGAATGCTAAGTTACCGGCTATTTCTCTCAAAGGTT
GTGCTAGATTTACGTTCTGTAACGCAACTGATCCCCGAGGA

>trans_s_9700 NM_001050569|Oryza sativa Japonica Group Os01g0709500 (Os01g0709500)
mRNA, complete cds

TCGTTATCTAGTCTGAGTCTCCAGAAGGAGGTGATTGAGGTAAACCTGGATATCGAACATATAATACTTCAT
AGTTCCCAAAATAGGAAGCTTTGATCGAAACGAAGATATG

>trans_s_9701 NM_001069148|Oryza sativa Japonica Group Os09g0128400 (Os09g0128400)
mRNA, complete cds

TGGCCAAGTGTTATTTTGCAAAGCATAAGTTGGTTTGGGAACTTCTAGATGGGAATCTTAAGAACAAGATAGA
AATTCAATGGTCGGACCGGACTAAACATCCAGCAGTGCCG

>trans_s_9702 DQ267933|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D-alpha (PLDa1) mRNA,
complete cds

TTGGTGCATCAATAACAAAAGGTGGACCGAGGGAACCTTGGCACGATATCCATTCCCGACTTGAAGGGCCCA
TTGCCTGGGATGTCTTGTTACCCCCAGATGGGAACAAGGA

>trans_s_9703 Novel Gene

GCAGAGATTACCATTCGCGAGATTAGAGATACGATCGTCCTCCATGCTATAGGGAAAGCAGAGAGGGATCAA
GGTAGCTTACCTGCCAAGCCCTATCCGCTTCCCGGAGGAAG

>trans_s_9704 NM_001068048|Oryza sativa Japonica Group Os08g0310500 (Os08g0310500)
mRNA, complete cds

CCAGGTCAGGCGGGAGGGAGATGAGGTTGTTGATAGTAATGTCCTTCAATATTGTAGCATAGACAAGGAGAA
AAAGACCATTTGGAGAACTTGAGCAAGGAAGGAGCTGAGGGT

>trans_s_9705 FJ911553|Cucumis sativus sedoheptulose-1,7-bisphosphatase (SBPase) mRNA,
complete cds

GGGAGTCATTAAGGCAATTTCCCAAGTCATCGGTGAAGGTGGCATCAAGGCCAAAGAGCGTTCCCCTCAAAA
CTAGATGTGAGATTGGTGATAGTCTGGAAGAGTTTCTCACC

>trans_s_9706 FJ197999|Glycine max retrotransposon gmp1-129o3-re-4, complete sequence

CTGGGCGTGGCGCTCTGCGCGCCACCTAGCTGCGAAAGCTAGCCCTCGACTATGCGATCCTGCGGCGGCTCT
GTAGAGCTTCCGCATAATTCCTTCGGATTGAGCCGACATC

>trans_s_9707 CT028381|Poplar cDNA sequences

GTTGAGGAGCCAGACGACCCCCGCCTCTTCAAAGATTTCTCTAGCCCATGGAAATGTTCTTCAAGTTCTTCAGA
AGTCGGGGTTTGTGTCACGCAAGAGGATTCGCGGCATGT

>trans_s_9708 Novel Gene

TGTTCAATTTGGTAAGAGTTGATCAACAGAATATTCCACTTTCTTAGTGAGAATCCTGCCTAGGGAAGTAACTGC
GTCATATCGTGCGCACGCTGTAGGGCCTGTGTCATGTCA

>trans_s_9709 BT026490|Arabidopsis thaliana At1g09850 mRNA, complete cds

AGCTGTGCTGCTGGGGAAACCTGTTGTTGTGCAAAGAAATTCCTTGGCCTTTGTTTATCATGGAAATGCTGTG
GATTGAGCTCTGCCGTATGTTGCAAGGAGCCAGCAGTTCA

>trans_s_9710 XM_002887920|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATP binding protein, mRNA

AGGAGTGGTACCAATGAACTTGTTCTTATTGATTTTGGTCTGAGCTTCACTTCAACTATTCCAGAAGACAAAGC
TGTTGATCTATATGTGTTGGAACGAGCGCTCGATAGTAA

>trans_s_9711 XM_002868350|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GDSL-motif lipase/hydrolase family
protein, mRNA

TCCATATGCATCATTTGAGTATTAACAGCAATGAAGACATGGGAACCAATTCATCGTTGAGAGAATTGATTAT
CTGGACAAGCTGTGGGTTGAACAGGGCGGCAGCCCGTTG

>trans_s_9712 Novel Gene

AGATTTGTCAATCCTAGCGACAGTACCATTTCAGGAGGAAAAGAACCCAAATTTAGGTTAGGCAAGAATTAC
CTGGACATGGACATGAGAATAGAGAATATGGCAAAGAAGA

>trans_s_9713 XM_002319760|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS56),
mRNA

AGAGGAGTCGGGGGCAAATATATATCGAGCTCTCAACTGTAGGGAGCCTGCCAGTGATGATTTGCTATCTTAT
ATGCATATGCTATATGAATAGACGGGGATGAACGGACATA

>trans_s_9714 XM_001694342|Chlamydomonas reinhardtii flagellar associated protein (FAP244)
mRNA, complete cds

CTCCGCCGTGGTAGCCGCCTTTGTAAATATAACTTTCGGGCGTATGGCCGCCATTGATGAGAAGTTGTTGTTG
GAGTGTTTGTGTTTGTGGGATCTGAGAATTTTGTGCCATT

>trans_s_9715 AF209572|Cucumis sativus ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGAGAATCGTTGGTGAAGAACATTAT
GAAACTGCGCAAAGAGTTAAACAAACCTTACAACGTTACA

>trans_s_9716 Novel Gene

TAAGGATTTCTTACGCGGATATGCCGACGACTTACTACTGGGAATCGTGGGTGCCGTAGAGCTTCTCATAGA
AATACAAAAACGTCTCGCCCACTTCTACAAGAATTCAAT

>trans_s_9717 NM_001073503|Oryza sativa Japonica Group Os12g0548300 (Os12g0548300)
mRNA, complete cds

TGGTTTAATTGAGTACATAACATCAGGACCTGTTGTGTGTATGGCATGGGAGGGTGTGGTGTGTGGCATCA
GCACGTAAGTTAATCGGAGTTACAAATCCTCTTAGGATCA

>trans_s_9718 Z25857|F.pringlei mRNA for P subunit of glycine decarboxylase multi-enzyme
complex

GGGAGCTCTGGAACAAGATCTGTAAGATAATTCATGAGAATGGAGGTCAAGTCTATATGGATGGAGCCAACA
TGAATGCTCAGGTGGGTCTAACAAGCCCTGGTTGGATTGGA

>trans_s_9719 Novel Gene

GATTGTTCTTGCCCATAGGAGAAGGAAATTACAAATGCTTTGGAAGGAGCTGGTGTTCACCAACAGAAGC
TGAAGTTGCGCACAGGACAATTTCCGGTGATACTACACATA

>trans_s_9720 CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

AAGAAATAAGTGGGACCTTGCTACCAGACAGAGGGCAAAGGGCCTGCAAGGGACCGTGGCTTTCGTTATACG
GCGACATGTTGTGTAAGTCTGCTAGTACCACCCCCGGTT

>trans_s_9721 FJ895886|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf2 (ycf2) gene, partial cds;
chloroplast

ACTCATAGTGATCATTTATCAAAGAATGACTCTGGTTATCAAATGATTGAACAATTCTTGATTTCAGTTCTCCACC
TTAACGACAGAAAAAAGGATTGCGACCCGGAGTACAGA

>trans_s_9722 NM_001112604|Zea mays anthocyaninless2 (a2), mRNA emb|X55314.1| Zea mays
A2 gene

GCGACCCAGGTACGTGCAAAAACTTTTGCTTATATGCGAGATTCTACGATGAGCATGGCGGCCATATTTT
GCACAGCGATCGGTGAGCCGCCCTGTTGGTGGCCCGCTT

>trans_s_9723 AY579882|Medicago truncatula AML5 mRNA, complete cds

ATCTGACTCTTTTACGCCTCATCTGATGTTAGCTTGTTTCCAGTTCATTGCCAGTCTTACCACATGAGAAATT
GGATTTTGATTCTGAGCTTTGTCAATCTGATGGTGCTG

>trans_s_9724 AF262939|Pisum sativum chloroplast protein import component Toc159 mRNA,
complete cds

TGGTCCATCTGGTTCCTTTGGGTTATGAGGTCTTTGTTGCTCAACGTTCTCATGTTCTTCAGCAAACTGTTGC
TCACTAGTGGTTGTGAGTATACGAAGCCCGAACCAGG

>trans_s_9725 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

GTTCCCTGAGAAGGGAGTGGCTACCTACTGGAGCTTCGACCAACTACCATCGGTCAATTCCGCTTTGGGGCCA
CCCCTGACTCTACCATTATTCGCTTCATAAAAAAAGCTC

>trans_s_9726 AY110764|Zea mays CL56159_1 mRNA sequence

ACATGGGTAGTGAAATGGACAGGCCAAACGTTGCTCTGGATCGTGCTTCTGTTGATGTTGAGGTGCTTGGTG
ACCGAGTTAAAGATGCCAACCGACATAACATGACAAACGAA

>trans_s_9727 AY143800|Arabidopsis thaliana At2g23090/F21P24.15 mRNA, complete cds

TCTATAGAGAAGAACATGGAGAAGCTGAAAGCTTCTTCTAAGGGAAGTCAGCTCGAAGCAAACAAGAAAGCA
ATGTCTATTCACTGACTGTGCGTGTATGTTTGTAATGTCA

>trans_s_9728 AF112440|Pisum sativum ribosomal protein S26 (RPS26) mRNA, complete cds

ATTTCCGGCTCCAACAGGACGAGGTGCTTGACCTGGCTGACCGGGCTTGCCTGATCCTCCCTGCGTCTGATG
AAACGCTGTGGTGGTTGCCGATTTTCCTCGGACTGGTTTA

>trans_s_9729 AF352249|Lathyrus sativus histone H1 (His1) gene, His1-2 allele, partial cds

TTGCCTGAGAGCCTCCTTTGGTGCCACAGAGGCTTCAGGAACCTTCTTCACAGATGGCTCAGGATGCACAGGA
ACCTCTGGTTCATGCTCATGCTCATGCTCATGCTCGTGTT

>trans_s_9730 HM122636|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR11)
mRNA, complete cds

CACGGTACTAACACCCAAACACAACTCTAGGACTTGTCCGAATCGCGTTGTGAAGCTCTTGGAGTCCGATT
GACCGACGGTTCATCCGGAAGAGTGAGCTGCGTTTTCCG

>trans_s_9731 DQ646342|Triticum aestivum HKT8 (HKT8) gene, HKT8-D homeolog, complete cds

CACATGTACATCCTGAGCATGTAATCGGATTGGTTTATCACCACCATCGCAGAAATCTCTGGAAAGAAAGTTG
GAACAAAGTATTGGTAGTAACTTCATTCTCATCTGAAAC

>trans_s_9732 GU172016|Ipomoea batatas microsatellite Stv_lpb_1756 sequence

ACGATGTCTGGACAACCACCACACACAATCTTCAATTTTACCCATCTACTCCGTCTGATTTCCGGTGCCTTCCTG
ATCTCGGTCTCAACAGAACGAAGAAGCATCCGTTGGAG

>trans_s_9733 NM_100088|Arabidopsis thaliana transcriptional regulator-related (AT1G02080)
mRNA, complete cds

AGTAACGCCATTACTTCCAAGATCCTTGAACCATGTCAAAGTAGTTTAGCATACCAACCTCCAAACCCTTGGA
CCATGGGCATTCTTGACTACTGGCTGAGATTTATTCAA

>trans_s_9734 FJ518881|Carapa sp. 2 DK-2009 internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA
gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

AAGGGGTTGCAGCTCCGAGAGAATACCTCACCTAATAGTAACTCTCGGCGGAGAAATGCTTCTGTCGCGGCC
TTGACGCCTTTTTACGGTAGGCACGGTAAAGAACCCGGGG

>trans_s_9735 XM_002865709|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATFRO7/FRO7, mRNA

AGATCTTCCCTCGCAATTCTCTCATTCTTGCTCAACGACCAAGGAAGACTAGATTTTTTTTCATTGAGTGGTGT
ATGCGAGTAAAGGGGAAAATGTGGCAGAACTGACGTGGG

>trans_s_9736 X81710|T.gesneriana Thi4-1 mRNA for thionin class 4

>trans_s_9737 XM_002888595|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata flavin-binding kelch domain F box protein (FKF1), mRNA

>trans_s_9738 EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete cds

>trans_s_9739 X95593|C.sativus mRNA for carotenoid-associated protein CHRC

>trans_s_9740 NM_100521|Arabidopsis thaliana ATTPS7; alpha,alpha-trehalose-phosphate synthase (UDP-forming)/ transferase, transferring glycosyl groups / trehalose-phosphat> (ATTPS7) mRNA, complete cds

>trans s_9741 AY165745|*Alnus glutinosa* chloroplast trnS 5' flanking sequence

>trans_s_9742_AB000342|Fagopyrum urophyllum genes for ITS1, 5.8S rRNA, ITS2

>trans_s_9743 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds,
haplotype: S4

>trans_s_9744 EU157911|Vitis vinifera Myc2 bHLH splice variant mRNA, complete cds, alternatively spliced

>trans s_9745 AM404079|Plantago major mRNA for acireductone dioxygenase (ard1 gene)

TCGTCCCAGAAAAGCTTCCTAATTATGAAGAGAAGATTA AAAA ACTTTTACGAGGAACACCTTCACACTGATGA
GGAGATCCGTTATTGTGTGGCTGGAAGTGGTTATTTTGAT

>trans_s_9746 AF528940|Stewartia pseudocamellia photosystem II D2 protein (psbD) and
photosystem II cp43 protein (psbC) genes, partial cds; chloroplast

CGCATTCTCGGGCCCAATTGCTGTTTTTGTCTGTATTCCTGATTTATCCACTAGGTCAGTCTGGTTGGTTCTTT
GCGCCTAGCCCCACACATATGATATATAAAGCTAAGT

>trans_s_9747 AF104392|Cucumis sativus extensin-like protein (EXTL) mRNA, partial cds

TGGGCACGGTTTCTTGGCCCTGGCGACGGGTTTCCAATAACCGGAGGGACTGGCAGTACTGGTGGAATGGG
AACACTTGGGAGAGGAACACGGGAGGAATGGGGACGGAAG

>trans_s_9748 XM_002888869|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nascent polypeptide-associated
complex domain-containing protein, mRNA

GCTATTGAGGAGGTCAACATTTTCAAGGATGATGTGGTCATCCAATTCAACAACCCAAAGGTTCAAGCATCTA
TTGCTGCAAACACGTGGGTCACCGACAACCTCTTCTGGGT

>trans_s_9749 XM_001699913|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TAGACCCTAGAAAAGTCAACAACATCGTGAAAATTCCACTCATCAAATCTTCCTTGACCTAGTAGCAGATGTA
TGTGTATCAAGTTGCCTGGAATAGTGAGGTTACATAACA

>trans_s_9750 Novel Gene

TCGTACACATTCCGACGATTGGCCGAGCGAATAAGTCAACTTCCCCTGTCTAAACAAATAGTAATACGGAAAC
GTTAGAATGAACCAAATTGAGATAAACTGGAAAAAAC

>trans_s_9751 GU721059|Pisum sativum cultivar Dark Skinned Perfection phosphate transporter
(PT4) mRNA, partial cds

AATGAATGTTGTTGGAAGGGGAGGGATACTCATGGGTGGTTCTTGCACTGGTGTATCAGATCCTGTGGCAGC
CATTAAATGCACTACGCCAAGGCCGACCAGTACGCTGGGC

>trans_s_9752 HM122636|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR11)
mRNA, complete cds

CACGGTACTAACACCCAAACACAACTCTAGGACTTGTCCGAATCGCGTTGTGAAGCTCTTTGGAGTCCGATT
GACCGACGGTTCCATCCGGAAGAGTGCTAGTATGGGGAAT

>trans_s_9753 NM_001069476|Oryza sativa Japonica Group Os09g0346700 (Os09g0346700)
mRNA, complete cds

GCTTAAAACTTTATTTGCGGTATTGATGAGCTGACTCCAGATGCTATTGAAGTGCTCAACGCAGCTGATAAAT
TGGAGAAAGATCTCGTGAGATTGCATTAAGAGATTAGT

>trans_s_9754 XM_002877927|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AGGAAATGAGGATATGGCAGTTGATAGATTTTCAGGAAGGCATTAAGTTGTTGGAATCATTATCACTGAATTCT
GAGAATCCAGCTCTTCAACACCGAGGTGAATCTGGGTTGT

>trans_s_9755 AY106111|Zea mays PCO074668 mRNA sequence

GGCAAAGAGAAGGTTGCTTGACATTTCTTGATACCTTAGAGAGGAAGAACTAGAATTGCTTGAGTAACCAAA
AGTGCGGATTTTATCTGGATTCTTATATTTGATCTGACT

>trans_s_9756 S46795|atp6=ATPase subunit 6 [Brassica napus, Regent, pol, male sterile,
Mitochondrial, 2498 nt]

TGGGATTTCAAAGAAATGGGCTTCATTTTTTCAGTTTTTTATTACCCGCAGGAGTCCCACTGCCATTAGCACCTT
TTTAGTACTCTCCAGATCAGCTCTCGCGGTTTTTCGC

>trans_s_9757 U71000|Chlamydomonas reinhardtii CCS1 gene, complete cds

GTATCCATATAACTCATTACATGACAAATCAATTTTGAATGCTTCACCCCGCAAACTTAAATTACAACAGACTG
AGATTGTAAAAAGTAATCTTGTAACGCAACATGAGACT

>trans_s_9758 NM_001112507|Zea mays lipoxygenase9 (lox9), mRNA gb|DQ335767.1| Zea mays
lipoxygenase (LOX9) mRNA, complete cds

GAAGCTCCCACTGCCAAGAGTTGTGAGTGAATCCAGCCAAGGACTGCTAAGATACAACACACCCAAGATCCTT
TCCAAGGACCCTGGGTAAGGGCTGGGAGAGGACTTTAAGG

>trans_s_9759 AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

GGGGGCTACACAGGATGCCTCATCTTGGGACCCACCTCCCTGATGTCCAGTCCTTCCTGGGTTGAAAACAAT
GTATAAGAATGTTGGGTCAGTAGCTCCTTCCTTGAGTAT

>trans_s_9760 AL161560|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 60

TACGGATAATCTCTACAATGCAGCTACCCAAGAGAGGGAAACCACATTGAACCAACTTCTTATAGAGCTTGAT
GGATTTGATACTCCTTCCCCACAATTTAGGAAACGTCTGC

>trans_s_9761 EU009622|Vitis vinifera retrotransposon V16, complete sequence

AGAAGGCATTCTATTGATTAAGTGAGCAGCTGTAAGAATAGCATCTCCCCACAGGTATGATGGAAGGGAAGT
GGAAAGCATAAGTGAACGGGCTACTCCACAAAACACTAAC

>trans_s_9762 AB037113|Cucumis sativus hemH mRNA for ferrochelatase, complete cds

AGGTTGGAGTGTTGTTGCTGAACCTTGAGGTCCAGAGACTCTTGATGATGTGCAACCTTTCTTGTTTAACCTC
TTTGCTGACCCGGATATCCGCATTGGTAACATATACAAG

>trans_s_9763 AF291179|Capsicum annuum stellacyanin-like protein CASLP1 precursor, mRNA,
complete cds

AGAAAACTTTCCATGTCGGTGATTCTCTCGTTTTCAATTTTCAGGACGGGTATGGATGAAGTGTCGAGAGTTA
CGAATTACCCCAAACTATATACAAACACCCTAAATCTTCG

>trans_s_9764 AB491666|Prasinoderma coloniale Btub gene for beta-tubulin, partial cds, strain: MBIC10720

CAGCAGCACACATCATGTTCTTAGCATCCCACATTTGCTGAGTGAGCTCAGGTACTGTAAGAGCTCTGTATTGC
TGAGATCCACGGGAAGTGAGTGGAGCAAAACCCACCATG

>trans_s_9765 CP000595|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 15, complete sequence

GCATGAAATTTGACGCGAGCGAAGGCTTAGGGGCAGGAGAGAGGGTGGGAGGCGCCGTCGTCACGCGGGT
GGGCGACTTGAGAGTAAGCATTACACAATCTCCAAGATCATTT

>trans_s_9766 Novel Gene

CTGTTGTCCGAGTCGCCATGCCTGACGAAGGGTCGCAATCTCAACTCCATATCTGATCTGATGCAGCAAAGTG
ATTACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCACT

>trans_s_9767 XM_002892070|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipase class 3 family protein, mRNA

GGCTGAAGAATTAGAAGCTCGCCCATAGGAGCATACAACAATTTCTGGTTCCTTAAACATGGATGATTCTGA
AGTTCCCATTGACCGCTTTAAGAAGTTCTGCTACGTGGTT

>trans_s_9768 DQ445488|Vitis pseudoreticulata stilbene synthase (STS4) mRNA, complete cds

ACAGAGTAGTGGGTAATCATGGGTGTCAATTGTCTGGTGACTTGAGTAGTTCAGGTGCTTTGGAGTTTTCAAA
TGGGCAAATTGTTTCTGGCGAAAACAGGAGCAAACCAAAC

>trans_s_9769 Novel Gene

CGCCACGGAGAGTAACAAAATCAGTAAAAACACTGATCCAAACCTTATCCTGTTCGCCATTAATGGATGCTCC
GACCTCCTTCCTTCGAAAAAGTGAGAAAAAACTGAGACA

>trans_s_9770 XM_001691174|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GCGAACCACCGAGTCTTTGAGAAGATGATGATATGTATTGTCGCCCCAGTCTTAGTTGCATCTTGGGTGCACT
ATGGTGACTGACAGAGTATCTGATTCTCCGCAAGTGGATG

>trans_s_9771 Novel Gene

GGAGGAGAACTAGAACACCAATTACAAACAATAGAGCAAACACTACTACAAGAACTTAGAACTTCAGTCGTT
GTGCAGACTGCCGATTGGAAGTCTCAGGACTAGGGCAGACC

>trans_s_9772 NM_179963|Arabidopsis thaliana FAC1 (EMBRYONIC FACTOR1); AMP deaminase (FAC1) mRNA, complete cds

GAGAAAGAAATCATATCTGACCCAGTACACCAAAACCTAATCCTGATCCATTTCAATACACTTCCGAGGGCAA
GTCTGATCATTATTTTGAGATGCAAGATGGGGTCGCCTG

>trans_s_9773 NM_101688|Arabidopsis thaliana atnudt4 (Arabidopsis thaliana Nudix hydrolase homolog 4); hydrolase (atnudt4) mRNA, complete cds

CAACTTGCTTTGGTTTTGGGTACCGGAAGAGAATTGCAGAGATATAATCATATGGGTTTTCGTCAAGTTGTGG
GTTGTATACCTTACAGATTTAAATATAATGAAAACCCCTA

>trans_s_9774 tpg|BK004073.1||TPA_exp: Arabidopsis thaliana PIRP (PIRP) gene, complete cds

CCAACAAGGAAAGCCTAGGATAGTGGTCGGCCGGCAGAAAGCTCGCTAAGCTTCCGAAACATCGTAAAGAGA
GAATGAAGATCTCATGAAAGAAAGAATGAAAGAAGAAAATA

>trans_s_9775 NM_106727|Arabidopsis thaliana XH/XS domain-containing protein / XS zinc finger
domain-containing protein (AT1G80790) mRNA, complete cds

CAAGTGGTCGTTATTCTGTACCTGAGCTATGGAACCTTAAGGAAGACAGGAAAGCTACTTTGAAGGAGGTCAT
CAACTATATTGTTAAGAGCATGTTCACTGAAACGTTTA

>trans_s_9776 FJ719768|Capsicum annuum bax inhibitor 1 (BI-1) mRNA, complete cds

CAGGAAATAATTGAAATGGCACATCTGGGTGATATGGATTATGTGAAACATGCCTTGACTCTCTTCACTGATT
CATTGCGGTGTTTGTCCGAATTCTCATTATAATGCTAAA

>trans_s_9777 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GACCCAGACGATCTAGGATATAAAAGATAAGGAAGATCTGGAAGGTAAAAATGAATTCCATTGTGGAGCCGT
ATGCACTGCACACGTGACGCCTGTACGTGGTGTAACCTGCGC

>trans_s_9778 XM_003079686|Ostreococcus tauri ZTL/AFR-like protein (ISS) (Ot06g01210) mRNA,
complete cds

TCCAGCTTCGGATGCTTTCCAACACCAACCAGCAAGAAGGAGAAGTTCAAGCTTTGCTCAATCACACGGATTTT
GGTTTCAGAACTTTGAGAGAGGCGGACCCGAGAACCCC

>trans_s_9779 AY093777|Arabidopsis thaliana AT3g18190/MRC8_18 mRNA sequence

CAATACTCGACACTGCTTGCTCCGCTTGCTGTTGATTCTGTGCTCTCGGTTGTTGATCCTGGTAAGCCAGATTTG
GTTGATTTGAGAGATATTAAGCGGTGTCCTCCTAGTTT

>trans_s_9780 HQ449713|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc_SSR_4 sequence

AATGTTTCCGTGTGCTGAAGTATGATGTTGAGACAGATCGTGCGAGAACCAAAGATCTAGACACTGCTGAGTT
GCTTGAGCAGTTGCCAGCATGCACCAGACTGCTGGTCTGG

>trans_s_9781 Novel Gene

AGAAATTCATGCTATACTCTACCCAAAACCTACTAAGATGAATCAACATGCAAACCCCTAATCCTCAAAGAAATC
AATAGCTACAGTTCCAACAAGGCTAATCAACTTTCACCT

>trans_s_9782 NM_001072372|Oryza sativa Japonica Group Os11g0167600 (Os11g0167600)
mRNA, complete cds

GCAGAGAGAGATTTATTCCGACCCCGACGCACTGGCAAGACATTCTCTGGCTAATACAAACACCCGTCGCGCC
CGCAGCAGTGGTAGGGCTAGGGCAGACACGACTGCTACGC

>trans_s_9783 AY738151|Salvia miltiorrhiza glycosyl hydrolase family-like protein mRNA, complete
cds

AGCTTGGAATCTATTCTGATGCTGGTCTTTTCACCTGTCAAGTTCGAGCAGGGTCACTTTACCATGAAAACGAT
GATGCACAGTTGTTTGCTTCTTGGGGGATTGATTATCTG

>trans_s_9784 GQ292792|Gossypium hirsutum rhamnose synthase (RHM3) mRNA, complete cds

CATGTTTATAACATTGGGACAAAGAAGGAGAGAAGGGTTATAGATGTTGCAAAGGATATATGCAGACTTTTCT
CGATGGATGCAGATGCAAGCATCATCAAACAACCTTTGTC

>trans_s_9785 GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

AAGTGTCTCTACCATAATAATCATCATGAGGGGTTTATGAACTTTATGCATAGAGATGAGGAGGTGAATTACT
TTCCTTCGAGATATGATCCTTGTCGTCATATCAGAGGACC

>trans_s_9786 GU997132|Phelipanche ramosa cell-wall invertase (CWI) mRNA, complete cds

CAGTAGGGAAGTATTTTCCGAAGAAAGATAAGTACGTACCGGATAATACATCGGTGGATGGATGGAGTGGGT
TGAGATATGACTACGGCAATTTCTATGCTTCGAAGTCGTTT

>trans_s_9787 NM_001186163|Oryza sativa Japonica Group Os02g0638650 (Os02g0638650)
mRNA, complete cds

AAACTATACCGAGGCGTGAGGCAAAGGCATTGGGGAAAATGGGTGGCTGAGATCCGTCTTCCGAGGAACAG
AACTCTTAGTGTTAGATTACAAGGATCGCAATAACTTCTTCC

>trans_s_9788 DQ178980|Brassica napus C2H2-type zinc finger protein (ZF2) mRNA, partial cds

CAATAACGGTAAGGGAATGACTCTGCCGAGCCTACCATCTCCACCAAGTCCGTCTACAAGTGCCCCCTTTGC
GATAAGGCATTTTCTTACCAAGCTCTAGGTGGTCACA

>trans_s_9789 AB294698|Hevea brasiliensis HbDXS1 mRNA for 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate
synthase, complete cds, note: HbEST_No.05597

AGCAGTGCTCTCAGCAGGCTGCAGTCAAACAGGCCTCTCAGAGAACTGAGAGAGGTAGCCAAGGGTGTACACA
AAACAAATTGGTGGTCCTATGCATGATAACCGACGTTTTGT

>trans_s_9790 Novel Gene

ATTTGACTACAGTAGACAATTGAGTTCGGCTGTGTACACAGAAGTGTCTGGCAATTCCCAAGATAAAGAACT
GCTCAAAATTCTACAGAGGGACTGAACAATGTCATCCATG

>trans_s_9791 AY039022|Oryza sativa expansin-like protein A (EXLA1) gene, complete cds

AAAATTTGGTTTATTTTATGTTGCTTCCGCGAGCCCGAGCGGCTGGGAGGATGGCGGGTGCCAGTGGAGGGC
AGGTTTGTGTTTCGCGAGAGCGGAACGCACGCGGCTTGG

>trans_s_9792 Novel Gene

AACTTGTTCAATTTGCGATGAATTAATTGTCCAATGCTAACCAACTTTGAGAAGTCTTTCAGCTAAAAATATGG
TCCAGTGAGGCCACGATTCAGTGCTTGTTTCAGGCATGCA

>trans_s_9793 U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

AACACCGAAGGTAGTTGCTGCCTTTGCTGAGCGAAGGGAATTTGACAAGATCCTTATATATTCAAAGCAGGTT
GGATACACACCGGACTACTTATTCCTTTTGCAAACAAAAC

>trans_s_9794 DQ787085|Glycine max bZIP transcription factor bZIP114 (bZIP114) mRNA, partial
cds

CATACGTCCAATTTCTGGAAAAGAAAACCCATCATTATCATCAACATTGTTGAAGTCTTGCTTTTCGTGTGGA
GATGACCCAGACACCACCTACAGGAGATTAACCTGGGTC

>trans_s_9795 HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)
mRNA, complete cds

TACTGGAATGCAGATGTAAGCAGGAGTGCAGAGATGAAGCCATCGAACCTGGATGACATGTTTGGATCATT
GATTCTTCCTTATTGTCTCAGTTGCTTCCGCGGAGTAATTT

>trans_s_9796 XM_002316592|Populus trichocarpa PAF1 complex component (PAFD902), mRNA

TGGGTTGCAAACGGTTACACACGAGCGTGGCTAAGGCGTTTTATTGTTTTCTTTACTTTAATCTACTGCATTAT
GGGGCGCGTACCGCCCCCCCCAGGCTTATATCACTTACA

>trans_s_9797 X02982|Pea legA gene for legumin

CTGCCACATAAATCTTGTAGGGGGGAAGGTGGGCAGTTGTGATTCATCTCCATTGAATTTCAACAATCATCTT
CCCTACATTGTATGGACCCGAACCTGGGTGTAGATAGGT

>trans_s_9798 NM_103933|Arabidopsis thaliana HIT1 (HEAT-INTOLERANT 1); transporter (HIT1)
mRNA, complete cds

AGACGAACAACTGCGAATACATTAATCAGATGTTCCCCACAGAGGCATCTTTATCTGGTGTGGAGCCACTTAT
GCAAAAGATCCATAATGAGATACGTCGTGTAGATGCTGGA

>trans_s_9799 AL161505|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 17

TGAGGAAATATCAGCAAGCTGGCTTGGTGGTTGAGGTATTCTATTTGGAGGTACATTTATCACGAGGAGTGTT
TGATGGTTTTGAAACTATCCATTGACAGAATGTGGTTAAG

>trans_s_9800 Novel Gene

GAAGATAAAATCTTCACGTTTAAGGATGAAAAGGGTAACTATGATACAAAGAAACAAACCATAATGGACTTAC
TCCTCCATGCTGTTGTAAAGAAGTCAAGTTTTGATCACGA

>trans_s_9801 Novel Gene

CAAAACGAAGACCAGAATCCGGATAACTCTGTTGAAGCCTTACACCATGAACTAATATAACTGTTGAGAGTG
CTATTTCCCATCAAGTTAATTCAGAATCTATAATTGAAGA

>trans_s_9802 DQ267933|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D-alpha (PLDa1) mRNA,
complete cds

CGCCACGGATCTTGAACAATGCGGAACAACGAATCGGGATTACGAGGGCACAACACACAGTGACGTCAGTT
CTGAGGAAGTAACGTTCAAGTTTCTTCATCGTGAGTAGCCAT

>trans_s_9803 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete sequence

CCTGGCATCGGCCTGTGGGCAGTTCTCTTCATTCTGATCCTACTACATTTGGATGAAATTTAACCGGATTGAAA
TATTTCTTCTCTTGCCCTTGGGAGGGGAACAACCTAGTT

>trans_s_9804 XM_003079443|*Ostreococcus tauri* Vesicular amine transporter (ISS) (Ot05g03940) mRNA, complete cds

GGAGGGGGGAGGAAGGGGTGCATCTTTCACAGATTTGTTTTACTGTTGGGATTTGTTTGAATGAGGATCTC
GTTCCGATCATTTGTTTGCTTACACGATGAAGTGATCATC

>trans_s_9805 NR_023269|*Arabidopsis thaliana* (AT5G59055) tRNA

GCACACATTCTCCGACGACATGCCGCAAGGCGTGGCGCCGTTGCCGGGGATCGAACCCGGGTACCCGCGTG
ACAGGCGGGAATACTTACCACTATACTACAACGACCCCC

>trans_s_9806 NM_112219|*Arabidopsis thaliana* protein kinase family protein (AT3G13690) mRNA, complete cds

CATGGAAGAGTTACAGTGCAACATTGTGGTAATGAAACGATCACAACCAAAAGTTCTTCGTTTGAACCTGGTT
GGGTCTCCAAGAGGAAAACCAGAAGTCTTCTCTTCTCC

>trans_s_9807 AB189465|*Zostera marina* zha2 gene for P-type H⁺-ATPase, complete cds

AAAGGTCTTGACAGCGATAGGGAATTTCTGCATATGTTCCATTGCTTTGGGAATGGTAATAGAGATCATTGTA
ATGTACCCATGGACGTCACGTCTCGTAGATGGACGTTAG

>trans_s_9808 Novel Gene

AGGCAGGCGAGTAATGATTTTCAGCAAGAGCAGCCGGACGGACTACTATAGTGAGTCTAGTGACTACGTCACT
CGAGTTGAGTCAGGGACATACCATATCACTAAGGGAATCT

>trans_s_9809 HM772000|*Scleropodium touretii* isolate OR_Mar159 photosystem II 32kDa protein (psbA) gene, partial cds; chloroplast

GGGCCCTGTAGTAGGTATCTGGTTCACCGCTTTAGGTATTAGCACATACCAAAATTGACGTTGTTTTACTAGCT
ATATAAAGCACTAATGAAACCATAAATTCAGAGGTGTT

>trans_s_9810 NM_001112593|*Zea mays* LOC100126363 (cl9911_2), mRNA gb|EF527876.1| *Zea mays* inositol 1,3,4,5,6-pentakisphosphate 2-kinase (ipk1B) mRNA, complete cds

TGTCTTCTTAGGGCTATTTTGGCGTGACCCGGAACGGGATTGCTGCCGCGGAACGGGACTGGTTCCCCGTACT
GACTCGTGGGTTTTGCTGTGCCACAGCACCTTTTGCTGC

>trans_s_9811 Novel Gene

CATGAACTTCTCAGATCCAAATCTTCTGCACAACAACGCCTCGCCGCTGCTTCTCAGCTTATGGCTTCAGCTAAT
TCCTTCCCTTACTCTCCAAATCCATCAACTTTCTTC

>trans_s_9812 D26578|Daucus carota mRNA for DNA-binding protein (transcriptional regulator), partial cds, CHB6

GTCTCTGAAGTTAAGGCGTTGGAGAAAACATTTGAGATCGAGAACAAGCTCGAACCAGAGAGAGAAAAGTGAA
GCTTGCTCAAGAGTCCAATTCATGGAACAAACACCCACCT

>trans_s_9813 AY564238|Cucumis sativus male-specific expression region sequence

TTTGCCGTTGCTGAGCTGTTGGGCCTGCAGATATCTGTGAATTTTCGAGTGTGAAATGGAATCATTCTTTCTTG
GTAATTACACGGGGGTCTAACTCATTATTAGTTCGTTA

>trans_s_9814 NM_001059664|Oryza sativa Japonica Group Os04g0485000 (Os04g0485000)
mRNA, complete cds

AGAAAGCAGCCAACTTGTTTTGGATTCCATCTCAACATTCACAACATACGAACTTTTTCCTTATGACACATTCA
TATTTTATACTGTTCTCACAAGCATTATATCATTGGA

>trans_s_9815 X80170|O.berteriana rpl2 gene

CGTTCTCTCTTTGCGAGGTCCGAAAGTGGAGAACGCATAGCATTCTCTGGGCACATAGGATGAAAGGTAAAG
CTGCCCTCGAGGAAGCCCCAAAACCCGGGCCCCCCCCAAAA

>trans_s_9816 FJ112320|Pinus taeda isolate 4100 anonymous locus UMN_3525_01 genomic
sequence

TCTTTCCTGGTTTCCCAGATAGGGCATAATGGGGAAAAAAAAAAAAATCCATGGACCGACCCCATCGTCTCCACC
CCACGAACCAGCATCTCAGTGGGGTAGATCCCTGCTTCA

>trans_s_9817 XM_002875859|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GDSL-motif lipase/hydrolase family
protein, mRNA

CAGCTGGATTGGCCATGTATCGGATCCTCCTTATGGCAGTACCTTCTTTCACCAACCCGACCAACCGATATTCA
GATGGACGACTGCACTAACTCTTGTAAATGGTTAGTGG

>trans_s_9818 Novel Gene

AATGAGTTGGGAATCAAAGGATCTACTATTTCCCTTAGCCTGATCACATCTGCAAGGGTGACATTGCTTGGAA
TAAAGCGCTGGCTGCTAATTATACAACAAATGTGTTCTT

>trans_s_9819 AB193292|Arabidopsis thaliana AtCAP-H mRNA for chromosome associate protein
subunit H, complete cds

CAACATGCAATTACCTCCGACCAACAAGATAGCCCCACTCACAATTAAGGGGGACGCCACTGGAGGTATAGA
AAAACCCCCGGGGAAAATTTACAGCCACACACAACTGTCT

>trans_s_9820 EF555577|Oryza sativa (japonica cultivar-group) terminal-repeat retrotransposon in
miniature ZO2, complete sequence

AGATATATGATCTCAAAAATAACAAAACTGGAATAATGTACAGAACAGCCCCTTTTGAGCACTGGCGGTAGT
GGGGGCAGGGCCCGCGTGCCTCTCCCCGAACAGTGTCT

>trans_s_9821 AY081836|Arabidopsis thaliana T3B23.2/T3B23.2 mRNA, complete cds

AGGTGGATATGGAACGTTGGAAGAGCTACTCGAAGTCATAACCTGGGCCCAACTCGGCATCCACGACAAGCC
GGTGGGTTTGCTGAATGTTTCATGGCTATTACAACCTCGCTT

>trans_s_9822 AB050124|Amaranthus tricolor POR2 mRNA for NADPH-protochlorophyllide
oxidoreductase 2, partial cds

GCCAACCTTGGTGACCTTAGAGGACTTGCTGGAGGATTAAACGGCCTAACAGCTCTTCGATGATTGACGGTG
GTGAGTTTGATGGTCGGTTCGTATGTTCCACAGGTTTC

>trans_s_9823 XM_002318521|Populus trichocarpa aminophospholipid ATPase, mRNA

TCAAGGCATTTAAAACAAGTGTAGCTCAACAAATAACTGATGCGAAAGCATTGCTTACATCCTCAAGCGAAAC
CCCAGAAACATTGGCTTTGATAATTGATGGAAAGTCCCT

>trans_s_9824 AY935269|Antirrhinum majus plena (PLE) gene, complete sequence

TAAGGCAGCTATTAGCATCGCCAACAATCCAGTTCAACATGATAGAACTAAACATGTTGAGATTGATCGGCAT
TTCATCAAAGAAAGACTTGACAGTGGAAACATATGCATT

>trans_s_9825 AB369314|Arabidopsis thaliana PHOT2 gene, chromosome 5, ecotype: Yo-0

GTGGCGCCCTCTACTCGCGAGTCTATGAGATGGATCATACTGGGGCAATGTACTCTTCAGTTCCAATGAATGA
ATTGAGTTCCACCATAGGTTTAACGACGAACGTTGGCAA

>trans_s_9826 EU030446|Dactylis glomerata Hsp90-like protein mRNA, complete cds

AGGAGATTTTCCACATTGATTGAAGTGGATTGGAGTTTAAAAGTTGAAGATACAATCTCTTTTGAATTAATC
TGTAATAACACACTGAACACTCTCCTCGGGTCATTTCGC

>trans_s_9827 NM_102391|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol 3- and 4-kinase family
protein (AT1G26270) mRNA, complete cds

AATCCCATTTTTCAGATGATGAGCTCAAGTATATTGAAAATCTTGATCCAATCAAAGACTGCGAGATGCTTAGG
ATGGAGCTACCCATGATTCGTGAAGAGGTAAGGATTTGG

>trans_s_9828 AF227620|Euphorbia esula 60S ribosomal protein L10 mRNA, complete cds

ATCTAATGTCCGTTCTGTGAAACCCCACTTCCTGCTCACAATGATCTTCTGACGGCCAGGAACTTGAACCTAGC
ACGCCGGAGAGCCTCCTGTGCATTCTGTCCGTTGTTGT

>trans_s_9829 NM_111634|Arabidopsis thaliana PEX13 (PEROXIN 13); protein binding (PEX13)
mRNA, complete cds

TCGAATATCCATTCTTATTGACCAAAACACACAGGCATTTTCATATGTTTCATGACTGCACTACTTCAGCTTTTTGA
TCGCTCCGGTATGTTGTATGGAGAGCTTGAGCGCGGG

>trans_s_9830 Novel Gene

CCATTGTGGGTTCAAAGAATATGGTTTTCTTCTTTATCGTATCGGAGGTTATGTTCTTTTTTGCTTTTTTTTGG
GCTTTTTTTCATTTCCTTTTGCAAAGCAAACGAGA

>trans_s_9831 AY968572|Neosomitra sarcophylla tRNA-Leu (trnL) gene, partial sequence; plastid
AGAGATTCCAAGATCTACAAGTTGAGCCAATAATCGAATATTCATTGATCAAATCATTTACTCCATCATAGTCT
GATAGATCTTTTGAAGAAGACTAATTAGTCTCTAGGGC

>trans_s_9832 NM_116736|Arabidopsis thaliana GSL1 (GLUCAN SYNTHASE-LIKE 1); 1,3-beta-glucan
synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (GSL1) mRNA, complete cds
TCTGATCGTGAGGTTGAGCTATTGGAGTTGCCCCAAAATTCTTGAGTATTAAAGTTATTCGCTGGCCATGTTT
CCTTCTCTGCAATGAGCTATTGCTTGCACTCAGTCACT

>trans_s_9833 NM_001072741|Oryza sativa Japonica Group Os12g0159100 (Os12g0159100)
mRNA, complete cds
AGACGAGAATAAGACGAAGACCAGGGCCAGCGGAAGTGGCAGGGCAGTCTTAAGTAGACCTTGAGAACTCT
AGTCAGGCTGGCAGATAAAGTCAAAGAATGATCAAAGCTCA

>trans_s_9834 Novel Gene
ACTTGTATCCAGTAGCTTTCCTAGAGCCTCTGGGTGGTTTCGTGCTTTCGGTCTTAGAAAGTCTTTTACCTAAG
GATAAGCTTCTCACGTATTGGCGTTTTCGGGGCGTTGT

>trans_s_9835 XM_002866197|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 23,
mRNA
ATGCAATGTTCTTTTTGCTCCAACAAATTTGATCCATTTTATAGATCTAAGTCTGGACATAGTGAAGGCTGATAG
ATAAACATTTTCGCAAATTTTGAAGTGGTGAGGTGAGC

>trans_s_9836 AF043554|Nicotiana tabacum hairy root 4 (HR4) mRNA, complete cds
GATAGGGAAATCCGTCCGGCATAACGTCAAGCTGTGATGGGGAGGGAACTATAGTACCGAAGCTCCTGAGTT
CACACTGCCAAGAAAATCCTCTAGTGAGAGGAGAGGTGCC

>trans_s_9837 NM_001051916|Oryza sativa Japonica Group Os01g0946100 (Os01g0946100)
mRNA, complete cds
GGTTCTCAAGTCCGACTGCACCGGACAAGGAGGAGAAACCTCCGCCGTCTCCACTGAAATCATGCTCTCCGTT
TCTTTACTCTCGTTCTCCAGATGCCGCGAATCTGATTGG

>trans_s_9838 GU471232|Vitis arizonica b42-26 resistance protein XiR1.2 gene, complete cds
TACTCTACTAGTGTACTGGATCTTCTACGACTTCTGGCTTAAACATATGGTTTTCTCATTCTTTAACGACTATTA
ATCTGCTGCTGTGTCTGCAAGTCTGCAAGTACCTCC

>trans_s_9839 Novel Gene
GTCGACCTTTTATCTAAGGATCAGACTGACGTGCAAATAGAGTTCAGCATAGTATCTACCTCTGTTGAACATT
CAATTTGTCTTCATTTCCAGAGAGAGTTGTCTCGCGCC

>trans_s_9840 DQ206434|Senecio vulgaris inhibitor-resistant PSII D1 protein (psbA) gene, partial
cds; chloroplast

GTGTCTAACACCCACCCATCCCGCCAAATTCATAGCCATGCATTCTCACAGGGACCCATCTACGTTCAACTGTG
AAACTAGCATATTGGAAGATCAATCGGCCAAAATAACC

>trans_s_9841 XM_003074085|*Ostreococcus tauri* CLPB1_SYNEL Chaperone clpB 1
dbj|BAC08941.1| ClpB protein (ISS) (Ot01g00720) mRNA, complete cds

GTACTGACCACACCGAGGGACAGGCCCTGAAGCGAAGGACGGGAACGAGCGGAATCAATGTGTTCAAATTT
CTGGCCTTGACCGACCATCTAATGGACGTACCGTCCATAG

>trans_s_9842 XM_002869850|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* PSBQ/PSBQ-1, mRNA

GCTTGAGGAAGTACCAACACCCTGAACTCCCGACTCACAATGGAGAGCAAAAGAATCAGCCAAAGACATTA
TCAATGTAAAGGGGCAGATAGAGATCTTCGAACCGGTAA

>trans_s_9843 AJ749617|*Chlamydomonas minuta* 5.8S rRNA gene, ITS1 and ITS2, isolate SAG 19.90

GCACTTTCCGGTTTACCGTCCAGTTAAGATAGAAGAAGGCACTGCTGTGTGGCCTACCGGTCCGTGCTAGCTT
ATAATCTCGAAGAGCAGACGCCAGCGCATACGTGCACC

>trans_s_9844 Novel Gene

GGAAGTCCGTTAGCATTTTTACAGACTTTAATGTCTGATCATATTCGCATTGAATTTCTTTAACTTTAGCTTTA
GAGATGATATGGCATACTTAATCGTTCATTTCTTC

>trans_s_9845 FN563099|*Bathycoccus prasinus* plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene,
tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain SCCAP K-0417

AGAGGACCCGTTAACCCTTGGGTGAAGCGGAGAATTTAAGCCCCAGTAAACGGCGGTGGTAACTATAACGGT
CCTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTCGGGTAAGTTCCGTGGG

>trans_s_9846 EU849167|*Medicago truncatula* plasma membrane receptor-like kinase mRNA,
complete cds

TACCAGATTATCTAGCTAACATGACCCACCTACAGAATTTGAATCTTGCTAATAATAACTTCAATGGGCCTATA
CCTGTGGCTTGGGGTCCTGAACAGCCAGATTTCTGTAGA

>trans_s_9847 AY507955|*Arabidopsis thaliana* PHO1-like protein (PHO1;H3) mRNA, complete cds

GATAGCAGAGGAAGCACAAAGTACATGGAAACCATGTTTCCTCTTTACAGCTTGTTTGGATTGTGTCCTGCA
TTTGGTTATGTATGCGCGACCACGCGGAGCGCAAGAAT

>trans_s_9848 XM_003060929|*Micromonas pusilla* CCMP1545 histone acetyltransferase complex
component, mRNA

CGATTTTCTCACTGGCTAGTAGACAAGTTTGCCATCCATATAATTATTTGAGGTTCTATCAATTCAACTGTTCT
TCGTGCTCTGGGGAGTGGATATTCCAATATTCTTGAG

>trans_s_9849 EU878416|*Sinningia speciosa* SPINDLY (SPY) mRNA, complete cds

GGCTGTGTCATATTGCATCATCTCAGAATAGACAACCCCAAGATTATAATATGCAGGAGCATAGTGTGGATCT
ATCTTGAGGGCTTCATAGTACTTCTGAATTCCATCTTGA

>trans_s_9850 DQ535872|Myrmecosicyos messorius trnL gene, partial sequence; chloroplast

TAGGAAGAGGTAGCCCATTAATCGACGGATTTTCCTCTTACTATAAATTTCATTTTGTCGTTATTGACATGTA
GAATGGGACTCTATCTTTATTCTATTCGATCTGATTA

>trans_s_9851 XM_002871052|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyltransferase family protein
47, mRNA

CCTTTGAAATGGGAATTGGACAGAATTATTCTCAAGAAGCCCCTTGTTGATTCAGTCATCATCAACCACAATGG
TATGTATTGGCTTTTTGGGTCAGATCATAGAGGGCTTG

>trans_s_9852 XM_003074379|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g03660) mRNA,
complete cds

CAAAATTGGCTTGTTCCACCCGTGCTCCGAACGTGGTCCGACAACGGGCTATTTGAGAAGCTTCAGGTTTGA
GAGGGAGGTTTATTTAACGACCTGAACATGCGAGGGCAA

>trans_s_9853 EU908574|Solanum lycopersicum glucan water dikinase (GWD) mRNA, complete cds

GATAGAAAAGATACATGGGCGCTTCCATCACGTTGCCAGATGGAAGTCAAGTATATAAGAACAGAGCTCTTA
GAACTCCCTTTCTGAAGCTCAACCTTGGCCTCGTTTCGG

>trans_s_9854 NM_001052361|Oryza sativa Japonica Group Os02g0137000 (Os02g0137000)
mRNA, partial cds

AACTCCAGTTATCACCTTCAAGAACAGATGATGATGCTGACGTTGTCAGTGCAGAAGAAGCTATTCCAAGTAA
GCGTGCTGCAGATTCACGAGTATCGATATCTATGTGACT

>trans_s_9855 AB037113|Cucumis sativus hemH mRNA for ferrochelatase, complete cds

GGAGGAATGTGTGGATTTGATCATGGAAGAATTAGAAAAGAGAAGGATAACGAATAGCTACACCCTTGCTTA
TCAGAGTAGAGTTGGGCCAACAAGACAAGCAAAACCCCTG

>trans_s_9856 XM_002875142|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal peptide peptidase family
protein, mRNA

AGCCTGCACTTCTGTACATTGTGCCTGCTGTTATTGGATTTTTGGCTGCTCATGTCATATGGAATGGGGATGTG
AAACCGTTGTTAGAGTTTGACGGACTAGGAGTAAACGC

>trans_s_9857 CP000592|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 12, complete sequence

CTAGCATGATCTTCTCTTCTGTTTTACAAACCATCTATATCGTTTTGTCGACCCTGCGGTTATGCAGTTCATTTT
TTATTTGCTCCTATAAGCGGGGTGGCCGATCGTTGT

>trans_s_9858 Novel Gene

AAAAGAAGATTTGATGAGCTTTTTTCCAAAACCTCAGAATCAATGGAATTCATGTATCTAAGGCTATCCATGAAA
AGATCTATTCTCTCTTCTCTTCTTACTGAAGAAGAG

>trans_s_9859 NM_001065495|Oryza sativa Japonica Group Os07g0164500 (Os07g0164500)
mRNA, complete cds

ATCACTGCAATCAAACGAATCCGATTCACTATCCGCTACACCATTATTCTTAACCACCGTCATCCGCTTACGTTT
CTCGACTCCATCGACTGCTGAAACTCCACTCAACATT

>trans_s_9860 NM_101858|Arabidopsis thaliana pathogenesis-related thaumatin family protein
(AT1G20030) mRNA, complete cds

GTGTAGAATGGGGGTCATGTGAGATTATTGTTAGAGCCACAGTCGCCAGTAGCGCAAGAGAATTTCCCGGTG
GAATCTTCAGAACAGAGTGTTCTTCCCCAGAAACGCCCGC

>trans_s_9861 FJ467934|Carica papaya transgenic cultivar SunUp tetA pseudogene, complete
sequence

AAAGGGATCAAATAGGTAATGATACTCTGAATCATAGAACTATAATGAAATATACGATCAACCAACATTTATC
AAATTTTCAATTTTCGGTCATCCTCCCGTTTTTCGATCCTCC

>trans_s_9862 NM_001052753|Oryza sativa Japonica Group Os02g0199900 (Os02g0199900)
mRNA, complete cds

TAAGTACATTGGAGAAAGCGCAAGGTTAATACGTGAGATGTTTGGATATGCACGTGATCACCAGCCCTGCATA
ATTTTTATGGATGAGATTGATATTGCCAACAAATAAGAG

>trans_s_9863 XM_002326080|Populus trichocarpa PAF1 complex component (PAFC901), mRNA

GGAGATCTTAGAAGTGCATTATCAAATTTTGAGAAGGTTTTGGAGGTTTATCCTGACAACTGTGAGACATTGA
AAGTACTCGGTCATATTTATGAAGTCGAACACAACAGAC

>trans_s_9864 HM122456|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH2)
mRNA, complete cds

CGATCGGCTGTCGGCGTCTGCCTGTGAACGAGCTAGACAGGGGAGGGTTTTTGGGTTACAGACGATGGTCTG
TATTCCATCGCCTAACGGTGTTGTGGAAATGGGTTCGACG

>trans_s_9865 CP000601|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 21, complete sequence

AAGTGCAGAGTCTAATCCCAATAGTTCTAATCACCAAAACAACTGGAGCCTGATCCAGACGACAGTGCTTAT
CCAAAGCTTGATCCTGACTCGGATGGCAACTCCAATGAT

>trans_s_9866 Novel Gene

AACTGGGATTTTGGCATTAGTATCCAACCTTGCTAAAGCTATTAATCTCTCCTTTTGTTGTTCTCTGTCTCTCAGG
GGTACCCGGGGAGAAGGACCCCGAACCCGAGAG

>trans_s_9867 XM_002877956|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATVPS33, mRNA

AAAAGATCAAGGTTCCACTTAATTCAAGTGACAAGCTGTATAAGGAGACGAGGGATCTCAACTTTGAAGTGG
TTGTCCAGATTCTACGTCATATGGACCCGAACCTGGGTCT

>trans_s_9868 Z25863|S.tuberosum mRNA for glycine hydroxymethyltransferase

AGTATCTATTTTTTTTGGAGACAATGCCATACAGATTGGATGAGAGCACGGGCTATATTGACTATGACCAGTTG
GAGAGAAGTGCTACTCTTTTCCGACCTAAGGGCCGTGTT

>trans_s_9869 AF059674|*Nicotiana tabacum* RM12-3 retrotransposon Tnd-1, complete sequence
GACAACTATTTGAAGCTGAGGTACGATGACTGCTCTTTGAATATTTAATTTATGTTTAATAGATCTAATGCAT
GTTTATTTTCAGCTACGTTTGTTATAAAGTAGAGAATA

>trans_s_9870 NM_115646|*Arabidopsis thaliana* self-incompatibility protein-related (AT3G57840)
mRNA, complete cds
ACTGATATCATCTTCGATATTTTCTTGCTGCATTGGAGACCCTGTGTCTTTGTCTATGTCCTCACTCACAATCGCT
TTAGGAACAATTTCTCTGCGGCAGAAACATGCTCA

>trans_s_9871 AF190062|*Amborella trichopoda* phytochrome A (PHYA) gene, partial cds
ATGGCTACCCCTCGGCTCTTGTTTTACACCACCAGCAACACCCTCCAGGGAAATCAAGGATTGTCAGCCTTTA
TTGTCGATATGCGGAGCTAGGCCTGAGGCCAGACAGAA

>trans_s_9872 BT025782|*Arabidopsis thaliana* At1g51100 mRNA, complete cds
CGAAATACTCCGGCAAAGAAAACCCACAACAGAAATCGCAAAGCCGGAGCCACCCAACCTCGAAATCGGATG
GAAAAGAACGAAAGAGATCAATCTTGAGAAGGGCTAGCCC

>trans_s_9873 NM_001060598|*Oryza sativa* Japonica Group Os04g0645100 (Os04g0645100)
mRNA, partial cds
GGGTTGACTGCAGATGAAAATGTAGTTGTTTCAGGATACTTCCTCCTTGAGTCTTGTCATTGTTAAGCACTGTGG
GTACACTGCAACAACGGGAACCTACTAACGGGACGTTCA

>trans_s_9874 XM_002869666|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* clathrin adaptor complexes
medium subunit family protein, mRNA
ACATGTCCCCATCACCGTGTGCTTGGGCTAAAGACAGGTGGCGCATCTCCTTCTCCATCTTCCTTCAGAATTT
CACTTTCCGGAAAAAGATCTCAGCACTTCCTTTCGGA

>trans_s_9875 GQ487332|*Cucumis sativus* metallothionein-like protein type 3 (MTP-3) mRNA,
complete cds
CACCTGGGGGTTCTCACCTCTAGCTAGAGGGTGTGTTATGAATAATGTCTATTTCTGTTTTTCATTACAGTCAT
GTAATGTTGGTCACTTGTGTCCACAAGACCGGCAAGC

>trans_s_9876 AY426783|*Dalea hospes* internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence
CTCCAAGACAAGAGTCAGCGTCCCCCCCCTAAAAATCAAGGAACTGGGGCAGCTCCTTCAAAGAAAATTTAC
AAGTATGATATGACCAGCTCGATACTTCCAAAATTCCTC

>trans_s_9877 DQ487278|*Populus* sp. UG-2006 cell wall invertase mRNA, partial cds
GGGAAGAAAGTTGTGTTGAGCCATCAGAAGCTGTTGAAGGGACATACTGTTGAGGTTAAAGGAATTACTGCT
GCCCACCGACTACAACCTCAATAGAAGTCGAAAAGTTCAG

>trans_s_9878 XM_002313176|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE912), mRNA

TAACCCGCCTATGATGCAGTCGCCTGTAAACTCCATCGCCTCTACGAGCGCCGCCGTAAAGCCGCTAAAG
CAGCCAAAACCAAGAGCTAAAGATCCTATATTCTCCCTT

>trans_s_9879 XM_002891691|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata sodium/calcium exchanger family protein, mRNA

TGAACAAGGATGGACTTCTTTTCAGCTTCTGAACTGAGAGCACTAATCGTTGGTATTCAGTTTGACGAGATCGA
CTTAGACCATGATGATGCTGTTGACAAAATTTACTTACT

>trans_s_9880 XM_002893541|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycyl-tRNA synthetase, mRNA

TGGAGGCAATGAAGGAGAAAGAAGCCTTAGAGATGAAGGCAGCTCTAGAATCCGATGGAGAGGTGGAGTTC
TATGTCTGCACACTGGGGAGGGCGCTCTCTATAGCTACGGA

>trans_s_9881 Novel Gene

CACATTGGAGACCGATTTCGTCTATGAGATCATCATCAGAAGAATCTTTCAGGGGGGTAGGTGGCTCGACTCCG
ACAAGGGAGTAGAGAGCATTCACTTCATCTATGTATGTT

>trans_s_9882 Novel Gene

CCCTGGAAGCTGATTTTGGAAATTGTAATTATCTTGAGTGGTTCTCCTCTGTGCTAAATGAGGAGTGTTGTTGTG
TTCCTAACTTCTTTGGTTCGAGTGAAGTTTTGTTTATG

>trans_s_9883 Novel Gene

GCAAGTGAGGCGGGCTAAGCTTCCATTCTCAGTAGAGTTTCAGATAGAGGATTCGATCTTGGACCTCTCGGGA
TCCGGTTCGAGGAAAGGTCCGGCTTGGGCCGGCTGCCGC

>trans_s_9884 FJ467934|Carica papaya transgenic cultivar SunUp tetA pseudogene, complete sequence

TTTTGTCAAATACCTAGCGACAAACTCCTATCTTCCTTTCGTTACAGTATTTCTGAACAAGTTGCTGGATACTCC
TAAGCCTTTGGGGAGGCCAGCCTATCCAGTAGCGCT

>trans_s_9885 AF479086|Mirabilis jalapa 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AACAACATATCATTTCAGCTGACAAAGTCGAATGGAAATCAATATTGGGAACAAACATATCGTCTTCTGAGTTG
ACTGTTTCGACGCCCCGGGAAGGCCCCCAAAGGAGCCGTT

>trans_s_9886 XM_002318017|Populus trichocarpa anion exchanger family protein, mRNA

AAACTGCACTCCCAACAACTGCTCATGCAACCATAATGTTGCTTCCATGAAAGAGAACTTCGAAGGTGATTGT
GGCTGCAACAAATGTCTGCATAAGTCAAACCTGGTGACAT

>trans_s_9887 NM_001064048|Oryza sativa Japonica Group Os06g0320500 (Os06g0320500) mRNA, complete cds

AAGGGCAAAGGGAGGAAGAGCAGAGAAAAGAGGAGTCATCGGAAACAGGGGAGATCGGAGTCCGAGTAC
CGTTTGTCTTTAACGCCGTCTTGTTGGGCGACCAACCCCT

>trans_s_9888 Novel Gene

AAGCAAAGCATAAGGCAGAAACACTTCTAGGTATATAAGAGAACCAAGACAAGTTGCATCATCATCAAGTCCT
TAACAATTGGCCTGAGATGGTTTTTTTTCTTCTTGCCG

>trans_s_9889 NM_001187560|Oryza sativa Japonica Group Os05g0516400 (Os05g0516400)
mRNA, partial cds

GATCCACAGATGTAGTGGCTGGTGAACCCCTTTTTCTTCTCCACGAAGATTCAGACAAAACCGAGCTTGGAT
GGAAGTGAACAAGATTTGGCAAAAAGGCACCCCTGACC

>trans_s_9890 NM_001063932|Oryza sativa Japonica Group Os06g0283400 (Os06g0283400)
mRNA, complete cds

TTCGCGCGATGAACTGCAGCGACAGGGAAGCTAGAAGTCCCATGATCACTGGCATCAAAATCATGTGGAATG
AATTGCTGGAAGGAAGCAATTTACTAACTGACTTCTTCT

>trans_s_9891 Novel Gene

GGCGGAAAAACAAAATCCAAGAGATTGCTACCAAGAAATCACAGTCAAAGAAGCTAAAGCTGGAAAGATCTG
GATCTGCAATTGAACCAAAATCCTATCCCCCTGGCCTTTC

>trans_s_9892 EU593544|Magnolia sprengeri internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

AACAACGGATCTCTTGGTTCTCCCATCGATGAAGAACGCAGCGAAACGCGATAGGTAATGTGAATTGCAGAA
TTCCGTGAATCATCGAATCTTTGACAATGTACCACCCAAA

>trans_s_9893 NM_116247|Arabidopsis thaliana MEE45 (maternal effect embryo arrest 45); DNA
binding / transcription factor (MEE45) mRNA, complete cds

GAAGGGGCATTCTTGGAATTACAACAACCTACCAAGAAGCAAAGAATAATCAAACCTTTGTAAACACATATTCA
ATTTAATTACCTTCTTTTTTCTTTTTTGGGGGCC

>trans_s_9894 Novel Gene

CGTTTTTGGTTTCAAATCTTCTAAGTCGATCTGTAGAGTTATACCTTCTCAACACCTTACTGTTCTTTCTCAA
CAATCACAGGTGTGGCTCTTCTTCGTATTGAGTTG

>trans_s_9895 AF479109|Begonia metallica x Begonia sanguinea 26S ribosomal RNA gene,
complete sequence

CGGTGTGACGTGACGCCTGAGCCTAGAGGGCAGGCCCCACCACTGCTGTCATTTCATTGGCTCTTTCCCGAGG
TTACGGATCCATTTGCCGACTTCCCTGGGAGGCCTACG

>trans_s_9896 FJ664262|Annona cherimola disproportionating enzyme 2 (DPE2) mRNA, complete
cds

GATATCCTCTGGAATATTATCTGAAAGTGCTTGGACTCTCAAGTACAATGGATGCAGGGCAAAGACGGAAAG
TGAAGTGAAGGATACGAGTCCCACCACATTCCATGAACG

>trans_s_9897 X64329|G.max chloroplast mRNA for ndhK polypeptide and orf 158/159

GATTTGTCTTCTTGGCTAGTCAAACATGGAACGGGCTCATAGATCTTTGGGTTTCGATTACCAAGGAATAGAG
ACTTTACAAATAAAGCCCCGAGGAATGGCATTGGTAACGT

>trans_s_9898 Novel Gene

AGAGATCCTTCAAAATCCATTTTCAAAAAGAGATGTGAATAAATAGATAGGGCGGAGCCAGCTGAAGGAAGG
TCGCGTGAGCGCCCCTGCAAGAGGGAGCCTATCTCTTGAC

>trans_s_9899 HQ403644|Phaseolus vulgaris cultivar Negro Jamapa FBS1 mRNA, partial cds

CGAGGCTCTGCCTCAGGAGATTCTGATTAGGGTTCTCTGCGGTGTGGAACATGATGATTGAAACAGCTAATC
CGCGTTTCGAAAACAAACGAATTTCCGGTTTTTCGGGGT

>trans_s_9900 XM_002301363|Populus trichocarpa GH3 family protein (GH3-12), mRNA

TGTGTGGGCTAATCTTCCGGGATGAAGTTGAGTTTGTGTTCTCCACTTTGCACACAGCATTGTCCATTCTTTCA
GAACTTTTGAGCAAGTATGGGAAGAGCTTTCAGCAA

>trans_s_9901 XM_002875161|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata myb family transcription factor,
mRNA

GTAGTTCGATCGTGGAATTTATTTTTTCTGTATTTCCGGATATACTCACACACTGAACAATCTTAAGTAGGATA
CCTATGCTGTCTCTTCTCAGCCATGCTCCAGCAGTC

>trans_s_9902 Novel Gene

CCAGCGGAGTGATTGAGCGACTGGGAAGAAAAAAGAATTTTATTTATCTGACTGGGGTAATTCTAGAAGTTT
TTTGATTGAATTATGATACAAAAAGTTGTCTACCGGTCT

>trans_s_9903 AY109445|Zea mays CL337_1 mRNA sequence

CAGAGGGATTTAATGGAGCTGATTTGCGTAATGTCTGCACTGAAGCTGGAATGTCAGCTATCCGTGCCGAACG
TGACTATGTTGTCCATGAAGATTCATGAAGGCAGTAAG

>trans_s_9904 XM_001694541|Chlamydomonas reinhardtii mitogen activated protein kinase
kinase kinase 2 (MAPKKK2) mRNA, complete cds

CTCGGTACGAGGCTTCTTGACGACGACTTATCGCATGCTGCTCCCCACCACCGGCACGTCAGGAGTAGCGCAC
CCACCTTTGGCGCCAGCCCTTGCTAGTCCCACTGATCA

>trans_s_9905 DQ452532|Cucurbita maxima RAPD marker OPAA04_1131 genomic sequence

TATCTTACAACTAGTTGCTGCATGCTATGGGATCTCGAGAAATGGGAGGTTACAATTGAGAATCCCACTCTC
ATTACATTACATTTTGATGGAGATGAAAAGGAAGAATCT

>trans_s_9906 FJ589784|Pyrus pyrifolia class II chitinase mRNA, complete cds

TACGGCAAGATTGGGGATGCATTGAAGATTGACCTGTTGAATCATCCTGAATATGTTGAGCAGAATGCTACCA
TTGGATTTCAAACCTGCACGTGTTTCGTGTTTCGTGGTTTGA

>trans_s_9907 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

TGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCCGGATATGCGTCGGAGGATTCGT
TCCTGGCTCCTCTCTCGACCATTTGTGAGAGAGAGAAAGAC

>trans_s_9908 AY439098|Glycine max cyclin d3 mRNA, complete cds

CTTCTTCCTCAGAAACCCAGAAGAAAAAACCTCTGGCGGCTGCGAGACCCGTTGTTTCCCCTTCGCCACCATC
TCTCTCTCTCTTTCTCTCTCTCTCTCGAGAGGGAG

>trans_s_9909 HM122539|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL9) mRNA,
complete cds

ATGAAGAACTATTTGGTGTATCTCTCAGTTATTCTGAAGAACTGCTAGAGAATGGTGGTATTGATAGCTTGTT
AGGATGAAAACTATAGACGGCGATATAGACGTTGCTT

>trans_s_9910 XM_002866512|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CBS domain-containing protein,
mRNA

ACAGCAATCATTCAGAGAGTTGGTGATGATATTGACCGCAACCAATTGCCTCAGATTTTGTATGAAGATGAAG
ACCACGATAAAGTTGTTCTAGGATCAGACAGCGATCTTG

>trans_s_9911 CP001329|Micromonas sp. RCC299 chromosome 9, complete sequence

CCCTGCGGATGCTAACGCACTTCAAGACCAAGTACGGGGAGGGGTGGACGGGACGCGGGCGGGCCCCGAG
GTCCCTGGGCACCCCCGGGAAACATGAAATAATTTTCATCTC

>trans_s_9912 XM_001694541|Chlamydomonas reinhardtii mitogen activated protein kinase
kinase kinase 2 (MAPKKK2) mRNA, complete cds

CTCGGTACGAGGCTTCTTGACAGACGACTTATCGCATGCTGCTCCCCACCACCGGCACGTCAGGAGTAGCGCAC
CCACCTTTGGCGCCAGCCCTTGCCTAGTCCCACTGATCA

>trans_s_9913 AB325905|Petroselinum crispum NMCP1-like gene for nuclear matrix constituent
protein 1-like, complete cds

AGCTCTGAAAAGGAAAGAAGAAGATATTGGTAGTAGGCTAGCTAACATAGCTTTGAAAGAGCAGGAATCTGA
TTCATTGAAGGTTTCCTTAGAGATAAAAGAGAAGGAGGGC

>trans_s_9914 NM_001072824|Oryza sativa Japonica Group Os12g0175700 (Os12g0175700)
mRNA, complete cds

CATTCTTTGAGCATCAGATTCATTGGTTCTCCATTTTCAATTCATTCATGATGGTCATTTTCCTCACTGGTTTGGT
CTCTATCTATAACTACTCCTGAGAATCTTTAGAGAT

>trans_s_9915 NM_001068975|Oryza sativa Japonica Group Os08g0549200 (Os08g0549200)
mRNA, complete cds

GAAGGAAAAGCTCATGGAAAGGCTTGTGAGTGAATCTGGAGAAAGCAGTGGGTACGAAAGTGGAGCAACGC
AAGCAAGCCGACATCTATGGAGAAAGCAAGAACTTGAAGAA

>trans_s_9916 U82976|Citrus sinensis pectinesterase mRNA, complete cds

AGAGAGAAAATTGCTCTCCATGATTGTCTTGAGACCATTGATGAAACGCTTGATGAAGTTCATAAAGCTATTGT
GGATCTTAATGAATACCCAAATAAAAAGTCTCTTAACC

>trans_s_9917 Novel Gene

CCAGGATAGTAGAGAATTACCTGAAGAGGTATCACAAGTTTCGGCTGCGCTTGCTCCAACCAACAGCAATGAC
TCGCCTCAAATGGATCCCCTTAGCTCCTCAGTCTCTCTG

>trans_s_9918 XM_002865909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FTSH11, mRNA

ACAGCCATTGCATGTAGTAATGGTTGACCCTAAAGTACCCAACAAGTCTCGTTTCATGCAAGAACTTATCTCAA
CTATACTTTTCACTGTTGCTGTTGGATTAGTATGGTTT

>trans_s_9919 EU112872|Helianthus annuus genotype v94 chloroplast PSI type III chlorophyll a/b-
binding protein (PSI-III-cab) gene, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GATCCGGAAGGCACAGGAGGGTTCATCGAGCCAAAATGGTTGGCATACGGCGAAGTGATCAACGGAAGGTT
TGCAATGTTGGGAGCAGCAGGAGCCATCCCTATGATGAAAC

>trans_s_9920 X82840|C.melo mRNA for aconitase (UNI-ZAPxR)

CCTGTGGATCATGTCACCCTGCAGTATCTAAACTGACTGGAAGAAAAGATGAAACAATTTCTATGATAGAAT
CTTACCTGCGGGCGCCGCTCGTGGGTGCTCACATGACA

>trans_s_9921 Novel Gene

GCACAAAGAAGTGGGCATGCTACTAAACCTATCTCAGGCAACGCGAACGTGTCCGGCGTGAAAAGCGCTCTA
TGAATATAAAAGAATTATTCCATTATTGCTCACTAATAAT

>trans_s_9922 AB052228|Cucumis melo var. reticulatus Cm-ETR1 mRNA for ethylene receptor,
complete cds

CGCGTTCATGAATTGGAGCTGGTTGAAGTTGTTGCTGACCAGGTAGCAGTAGCTCTTTCTCATGCTGCATAGA
ATCTTCTCAGCTACTCCCGATCTCTAGAGAATTACCTCG

>trans_s_9923 NM_106288|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein / U-
box domain-containing protein (AT1G76390) mRNA, complete cds

GAAGAGATCGGTTCAAGTTAATGGGGCAATTCTTATATTAGTTGGAATGTGCGAGCAGTAAATCTGAGAACATCA
CCACAGTTGAAAATGCTGATAGAACATTAGAAAACCTGG

>trans_s_9924 AJ307662|Oryza sativa genomic DNA fragment, chromosome 2

TTGAGTGCCTCTTCGACATTCTGAGCAGGAAGAGATTAGAGATGGTTTTGCAAATCGATCATCGTCGAAAT
AGTAGATCCAACAGCTTCTGCATCTAAATCAATTGTTCC

>trans_s_9925 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete
sequence

CAGGGGTCACGTTTTCAAAGAAAAAAATGATAAAGTTATATCAGCAAACAGAAAGAGGGTATTTTGATTCTT
TTGTTTGTGCTGAGGCGACACCCGGATTGAACTGGGG

>trans_s_9926 AF223066|*Humulus lupulus* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

TTGTGCGAATCAACGGTTCCTCTCGTACTAGGTTGAATTACTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATC
GCTCGGTGGAATTACGTTACAAGGCGGCCCCGCGAC

>trans_s_9927 NM_112204|*Arabidopsis thaliana* 60S ribosomal protein L7 (RPL7D) (AT3G13580)
mRNA, complete cds

AAGGAGTATGAAGAGCAGGAAAAGGAGCTGATTAGACTGAAACGTGAGGCAAACTAAAAGGAGGATTTTA
TGTCGACCCTGAGGCTAAATTATTGTTTTAGTGAGCACCTT

>trans_s_9928 AF064788|*Lotus japonicus* rac GTPase activating protein 2 mRNA, partial cds

GCCAAGTCAATGCAGTGTTCTTTTGATGGTAGAGGAAATAGCGTGCCAACAATCCTTCTTATGATGCAAAAGC
GGTTGTATTACAGAGGGAGGTCTAAAAGCAGAAGGAATAT

>trans_s_9929 NM_179666|*Arabidopsis thaliana* CLASP (CLIP-ASSOCIATED PROTEIN); binding
(CLASP) mRNA, complete cds

AGGGTTGATTCCTGGTTCATATTCCACTTCCTACCACTCTCATCATCAAGAGAACCAGCTGAATACCTACCAA
GAATTGACTCTTTTGGACATGCTAACATAACCTTCCT

>trans_s_9930 FJ901246|*Vitis vinifera* CBL-interacting protein kinase 18 (CIPK018) mRNA, complete
cds

AAGTCGCGCCTTGTGTCCATGTGGTTGAGATGCGAAAAGCAAAGGGAGACACTTTAGAGTTTCACAAGTTCTA
CAAAAACCTTTCACCTCTCTGGAGGATGTTGTTTGGGG

>trans_s_9931 EF613544|*Solanum demissum* isolate 568A14g disease resistance protein R3a-like
protein gene, complete cds

ATTTGGAAACACTCATTCGTGATTGTATCAAGCTAAGAGAACTGCCAAGTGATATTAAGAATCTAATCAAT
CTTAGGCATCTTGACATTAAGAATATGATCAATATTAA

>trans_s_9932 NM_202966|*Arabidopsis thaliana* ATU2AF65A; RNA binding / nucleic acid binding /
nucleotide binding (ATU2AF65A) mRNA, complete cds

AAAGGATATGCATTTTGTGTTTACCAAGATCTTTCAGTCACAGACATAGCCTGTGCAGCACTCAATGGTATTAC
CCGTTTGTGCGCTCACAGACAGTGGATTATGTACCCGA

>trans_s_9933 AB035300|Nicotiana tabacum CGS1 gene for cystathionine gamma-synthase, exon
1, partial sequence

AAACTGATTTCGACCGCCAGTCCATGAACGATGCCTGATCTTTGAGACGGATGAAAGAGTCGGAGTTGGCTCC
GGATACAAACTCGACGGACCAACGAGCACTTTTGGAGGAT

>trans_s_9934 AF017159|Hemsleya heterosperma 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

AACGTCGTAGATACAATCGGAATCAAAATAACAAAAGAAATGAAATTAGATGACGTTTATGGGGTGATGCAT
ATTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTTT

>trans_s_9935 EF197847|Capsella rubella miR319a microRNA locus, genomic sequence

AACTTAAAATGGAGTCGAAGCAAGGAATAGAACAAGTCAAACAAGCAATCAGACGATCTTGGCAGAGCTTAA
CTTAACAAGTGTGCACTTTCGTTTGGTTGTGAGAGTGTGT

>trans_s_9936 X83767|P.sativum mRNA for chloroplastic outer envelope membrane protein
(OEP75)

ATGATCAACAATATCACGGATCTATAGATCGATTTAATCCTTTGATATTTTCGATGTTCAAAAGTAACCGTTCCAC
CAGGCTGCAGTGAAGCCAAAGTGGGACGTCCACCACG

>trans_s_9937 AC134256|Oryza sativa (japonica cultivar-group), complete sequence

GCCTGTTTTCTTCCGTAGTCCATCTTAGTTTTGCGTTTGGTTTTTAATATAGAGTATTTCTACATGGTTTTCAA
GTTTCGTTTTGCCAATTTGGTTTGGCAAAAACCAAT

>trans_s_9938 Novel Gene

CAGGAAGGTATGTAGGTGTGCAACCGAAACGACACATCCTTCCACAGGATTCGCCGCCTTCTACCCTGCTAAT
CAGCTAGAACATTGGGTCTTCCCGTCGATGTGAGCTCTT

>trans_s_9939 AM920395|Cosmarium sp. M 2731 partial 18S rRNA gene, strain M 2731

ATTGTCCCTAGCCTAGGCTGGAGGAGGGATCTTAAGCGGCTAAGCTACGGAGGACCAAGAATTTGCTAAGT
CTTCGAGCCCCCACTTTCGTTCTTGATTAATGAAAACAT

>trans_s_9940 FJ416481|Oryza sativa Japonica Group isolate 4 5' flanking region of transposon Ds
insertion site

GTCAGTCAAAATGATTTCGAGTCAAATAAGGTGATATGCTACTGCAACTGGTTTGGGATTATTCAATATTTATGTT
GGTGTGATTTGAATACCCCTGAGACCAACTGTGAACAG

>trans_s_9941 EU096226|Poncirus trifoliata chloroplast PPF-1 mRNA, complete cds; nuclear gene
for chloroplast product

GAAGATGAGAAGAAGAATAAATTAAGCAAGGCAGCTCGATCTGAAGATATTCAAACCTTTGGCTTCTGAGTCC
GATACTGAGGATGGGTATGATGGGGAGACAACTGTCTTCC

>trans_s_9942 AY216360|Raillardella argentea tRNA-Ala (trnA) gene, partial sequence; chloroplast
AACGCATTAGCTGTCCGCTCTCCGGTTGGGCAGGCCTTTGATTCTCCTTTACCGACAGACGGAGGCCCAACTA
CGGAGGCCTCATGAGTCTCTAAAGTAGCTACTTCTTGG

>trans_s_9943 CP000600|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 20, complete sequence
TCAACTAAACCATCAAAATCATGGCAACTACCATTACCAATAGAACCAGACTCAGGGGACGATGCAGAGAATA
AGTTCACCGTGTCTGTCACTAACTTTAGCCGTGTAAATT

>trans_s_9944 Novel Gene
CCCTATAACCTTGAACGTACTACAATGAGAGATGTGAAATTAACATTGCTGTATGTTGCGCATTTTCAGTTAACT
GGGGAACCGAACTGACCAGGAGTCTGCAAATGTGATC

>trans_s_9945 NM_001064332|Oryza sativa Japonica Group Os06g0538200 (Os06g0538200)
mRNA, partial cds
TTTATTTTAAGATAGATCGGAGGGACACCATCGTTATTTAGAAAGAAATGGTTCATATAGAAATCAAGGAAAT
GCCTACCCCTTGGTATAAAAAAGTGACTTCTCATCCAAAT

>trans_s_9946 XM_001691928|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+
GGAGAGATCGAGCTTCAAGAGGCGACGGGCAACTCCTCTGGCGTGTGGGCACGCGGTCTTTGAAGGCCCTG
GCCATATCTATATATGCTGTCACTCCTAAACCCAAGTTTA

>trans_s_9947 AJ609275|Cicer arietinum mRNA for leucine rich repeat protein (lrr gene)
CGGTAGTATACCAGCATCAATAGTGAATATCGGCAGTCTAAAGCATTGGACCTCAGAAACAATCGAATCACC
GGTGAGATTCCATCCGACTTCGGGATTAATTGAATGCTT

>trans_s_9948 NM_111680|Arabidopsis thaliana ATAB2; RNA binding (ATAB2) mRNA, complete cds
GGAAAGACACCTTTTACTAGGAATGGGCTTTATGCCAAGCTCGGTACATGCTTTTGAATGATTGTCTGCATCT
GTGACCTAAAGAAGCGGATTTTCTCTGGTAATGGTACT

>trans_s_9949 X70783|C.nucifera organelle 16S rRNA gene
CATGAGTCTTGGCTCGGACTACGACATACTTTATGAGGTCCGCTTGCTCTCGCGAGGTCGCTTCTCTTTGTATA
TGCCATTGTAGCACGTGTGTCGCCAGGGCATAAGGGG

>trans_s_9950 AY908119|Hypnodontopsis spathulatus isolate BG1453 small ribosomal protein
subunit 4 (rps4) gene, partial cds; and tRNA-Ser gene, partial sequence; chloroplast
GAATTAGTAAAAGGTCTGAGAAGGAAAGATTATGTTGGTAGAGACGATGTTTGAGGTTTGAGGGAACAAAG
GGAATAATGGAAGAGGGCCCCTGTCCTTGTTCAAGCGTTGT

>trans_s_9951 NM_100289|Arabidopsis thaliana PRP39; binding (PRP39) mRNA, complete cds
GCGATATAAATTCCCGGAGTTCGGGTTCGCATCGTAAACTCTCCGATTTTGAGTATGTTGTCCTCTGCCACCT
TCTCTGTCTCTTCAATCAAAGAAGTCCATGAATAAAA

>trans_s_9952 DQ223000|Gossypium arboreum temperature-induced lipocalin (TIL) mRNA, complete cds

CACGAAGTTTTCCCAAGGACGAGGGTTATGATGTAACCAAACCTCCACAGGACACCACAAAGCGAACCTCCAC
CAGACCAGTGCAGGAATTTGGGAGCGGTTTTCCGTATA

>trans_s_9953 AF387795|Cucumis melo transcription factor (EIN3) mRNA, partial cds

GGAGCCGAGGAATGGTGGCCTCAGCTTGGATTGCCGAAGGACCAAGGTCCTCCGCCCTACAAGAAGCCTCAT
GACTTGAAGAAAGCTTGGAAGTAGGTGAAACAGAACAAAG

>trans_s_9954 XM_002323449|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family, ABC transporter family, mRNA

GGTTTTTAAGCGCCTTCTTTGCATACGTTCTAAGTGCTGTTCTCAGTGTCTATTACAACCCAGACCATGCTTTCA
TGAGCAGAGAAATTATTAAGCGTCATCGTCCCAATTT

>trans_s_9955 NM_001063307|Oryza sativa Japonica Group Os06g0142800 (Os06g0142800) mRNA, complete cds

GGAGCGCCGGCAGCAATGGTGGCCTGCAGGTCGATAAGGGCGTCGATTTTGCTCAGTATTTCTGCACTTACG
CCTTTCTGTATCACCAGAAGGAGATGAGAGTGTGTTAGAC

>trans_s_9956 EF555217|Cucumis hystrix isolate MIF_16 allopolyploidy-induced hypermethylated sequence

AAAGAAACCCAGATGATGGAGATGGTTCGGCGGATGGTGATAATCCCGATGATAAGCGTAGAAAGTTTTGTT
TTATGAGTGTGGTTCGTGATGCCATATCATTGCATAGTTA

>trans_s_9957 NM_001055435|Oryza sativa Japonica Group Os03g0137300 (Os03g0137300) mRNA, partial cds

AAAGGCAACGGTACTAACACTAGGTGGTCTTGTGGCGGGTGACAGTAGTGGGGTCTGCAGTTGAAAGTTGGTT
GCAGGTTGACATTGTTCTTTCCTTGGTATACATTCCCCT

>trans_s_9958 NM_001055978|Oryza sativa Japonica Group Os03g0227000 (Os03g0227000) mRNA, complete cds

TCGTGTGCTTTGTCGGATTACAGATGGAACCCTTCTACCCAGATCGAGAGGTATCTGAAACAAGCAATTGTA
GATAAAAAATCCTGTGGTAGCATAGTAATTCATTCT

>trans_s_9959 EF179103|Brassica rapa MLPK isoform 2 mRNA, complete cds

CGAGGAAAACAAAGTTATATACCGTGACTTCAAACGTCAAATATACTCCTTGACTCTAACTATAATGCAAAGC
TCTCAGATTTTGGGCTGGCAAAGGATGGACCTACGTT

>trans_s_9960 AF314924|Phaseolus vulgaris NADH glutamate synthase precursor, mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GTGTTTTGGGCCACAATGGAGAAATAAACACCCCTTAGAGGCAACGTGAATTGGATGAAGGCACGTGAAGGTC
TACTGAAGTGTAAGTCGTCTATGAGCGTGAGTCTGCAGT

>trans_s_9961 AF479224|*Saxifraga mertensiana* 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

ATTAACAAATGGAAGAGCTCAATTTATATTGTCACCTTCGACACGACCAACCACAAACAAAATGGGGTGATA
TGC GTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTC

>trans_s_9962 XM_002321112|*Populus trichocarpa* nitrate transporter, H⁺/oligopeptide symporter
POT family (PtrNtr1-2), mRNA

TAGCAGATGCCAGGCTTGAAGGTACCTCACTGTTGCAACCTTTGCTTCCATTACTGCTGTGGGTGTTATCTTG
TTAACATTGGCCACAACAATCCCTGGCATGAGACCTC

>trans_s_9963 XM_002872870|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* ubiquitin family protein, mRNA

AAGCACCGTCTTTTCCAGACCACTGGAATTCCCCCAAATCACCAGCGTCTCGTCTCCGGCATCCGCCAGATCGA
GAACGATTCGGTTCTCTCATGTTCCGCACTGGGAAAA

>trans_s_9964 AB036814|*Chlorella vulgaris* tubA mRNA for alpha-tubulin, partial cds

CTAAACCCACCACTCCGTCTCTCTCTCTCTCATATAGACCAGTTTTTTATTCGTTGAAGAAGTATAGTCTAG
TTTTTGCTGTTTTTTGGATGGGGGCAAGGCGGA

>trans_s_9965 NM_127899|*Arabidopsis thaliana* PAB4 (POLY(A) BINDING PROTEIN 4); RNA binding
/ translation initiation factor (PAB4) mRNA, complete cds

CGCCGCGCTAGTTCATCTTTGCTACATCTACATTGTGAAAATCAAGCCTATCCTCCGGACGGGTCTCCAGAC
CTCTTTGATCCTAACCGTAAACTGTTCAAGTTTCTTG

>trans_s_9966 HM122589|*Malus x domestica* HSF domain class transcription factor (HSF1) mRNA,
complete cds

TCTCAACTTCCTTCCACAGCCCTGAATAATCAGGTAGTTCAACTTGCCTTCAGAATTGTCTTGAGGCTGCAATG
CTTTCGCTGATCTGTGCCCTGGATGTTTTTCCTTC

>trans_s_9967 AL161543|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 43

AAGTGATGGAGACCATTAACAAAGTAAAGATATTCTGACGTTATCATGTTGCACACAAATACAAAATGAACA
GAAAGCATGCAAAGATATATGAACATACATCACCTTCC

>trans_s_9968 FJ040857|*Arceuthobium campylopodum* isolate CAM2161 ribosomal protein S7
(rps7) gene, partial cds; ribosomal protein S12 (rps12) pseudogene, partial sequence; tRNA-Val
pseudogene, 16S ribosomal RNA gene, tRNA-Ile and tRNA-Ala pseudogenes, complete sequence; and
23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TTTTTTGTTTCGTTTTTATTAACGACGTATCATCATCCTCCAAATACCTACGCTCTGATTTATCACTGAGCGGTCA
TTTAGGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGAAAGG

>trans_s_9969 AY274257|*Cucumis sativus* MutT-like protein mRNA, partial cds

GGAGTTGGAGTTTCAAGAGCAAAACCTATGACACTTTCTATGAAGGATACATGTTTCCTCTACTTGTC AAGGA
GCAGCTGGAGAAAACCGGACTTTTCTTAAAGATCAGGT

>trans_s_9970 XM_001690598|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ATTTTGATAGCGTGTCTTTTCGGGACAAGGCCTGCTTCCCACCCCCCTTCCCTTGCCTGTCTAAGCTCTCCTTAC
CCTGCTAGCCCCACTTAAGCTTCTTCCCCTCCTTAG

>trans_s_9971 GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete
sequence

GGGTTCGAATCCCTCTCTTTCCGCCAATAACACCCCCCTTAGCTTGAGACCCTCTTATCCTGTCCCTGATTTTGTAT
GCTTCTAATAGATTTCTTCATATGTTTAACAGGT

>trans_s_9972 X68256|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 6

TGGGAAATCTTCTTCATTTTGGATAATGAAAGCATTCCATTACTACCAACCCAAAGAAATACGACCTCTCTTAG
ATATACGGTTTATGCCGGAAGGTACGAAGTTGGACT

>trans_s_9973 GQ292789|Gossypium hirsutum UDP-D-glucuronic acid 4-epimerase (GAE3) mRNA,
complete cds

AACGAGCTCGCCAATCTTCTTTTAAAACACCAAATCTTCATCGTAGAAGGAGACTTAAACGACGCCGCATTG
CTCTCTAAGCTTTTCGGCACATGAAAAAAGTGGGTGT

>trans_s_9974 AJ004961|Cicer arietinum mRNA for cytoplasmic ribosomal protein L18

GTAACCTTGTGTTGAGTGACAATCTTCGCTTCCTTTCCCTTCATGTACTTGATAAGTCTGGAGCTGTCCCGGGG
CGGCTTGTTACCTTGCTCATGAACAAGCGCTTGAGG

>trans_s_9975 Novel Gene

TATGCTATCTTTAGAGAAAAGTTCAGATATTGGTTTCAGCAGGTAGGTGTTAGCTTATTCATTTGGCAGTGTAT
TGGAATTTACTCATAAAGTCCCTTGGAGTTGGACTTT

>trans_s_9976 AY928808|Artemisia desertorum ring zinc finger protein (ZFP1) mRNA, complete cds

GCTTCTACCATAGTTCTAACAAGCTCCAAATCCCCATTCTGCACAGCTCGGAACAGCCCATTTTCAAGGCGTTC
GCCACAGCTCAAGCCCTGACCCATCACCTCTCACATG

>trans_s_9977 NM_128666|Arabidopsis thaliana triacylglycerol lipase (AT2G31100) mRNA,
complete cds

CGACACTACTGCACCCAGGCTTTTGCCGTGAGGTGTAGTAACAATGTCTTCATTGACCTTCAATTCTATGGCAT
TTTCTGTTTCAGCTTTTACACAGGCATGGCCAGCTCC

>trans_s_9978 AY968573|Xerosicyos danguyi tRNA-Leu (trnL) gene, partial sequence; plastid

TCGATTCCAAGATCTACAAGTTGAAAAAATAATCGAATATTCATTGATCAAATCATTTACTCCATCATAGTCTGA
TAGATCTTTTGAAGAAGACTAATTAGTCTCTAGGGC

>trans_s_9979 XM_003079311|Ostreococcus tauri Molecular chaperone (DnaJ superfamily) (ISS)
(Ot05g02620) mRNA, partial cds

TATTAAGAATCTACATAACGGTGTAGGGGTTCTAATCCTGGTGAAAAATGTCCAGTCACCTTAGAAATACG
AGTTTTGGGGCTAAGTGGCGGCTGCGGACAACCATGAT

>trans_s_9980 NM_201946|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-
containing protein (AT2G43160) mRNA, complete cds

GGCAAGAATTGGAGGCATGTCTACAAGGGCTTGACCGTTTTGGAGTACTTGGTGGGTCATGGATCAGAGCGT
GTCATAGACGACATCAGAGAACATGCAGCGACTAACTA

>trans_s_9981 AB029148|Cucumis sativus mRNA expressed in cucumber hypocotyls, complete cds

CAGTGTTGAATCGGGAGAGGTTGCTGCTAGGAAACGAGGCTTTGCTGAAACTGTCAGCAGTGAGACCATTTTC
CAAGGTTGATCTCAAGCTCAATCTTTCTTCAAAGAAAC

>trans_s_9982 NM_001161003|Arabidopsis thaliana TSD2 (TUMOROUS SHOOT DEVELOPMENT 2);
methyltransferase (TSD2) mRNA, complete cds

GAAGGGATGTTATCTGGTCGTCAAATGTGAAAATCTCAGCGCAGGAGGTCCTTACCTCAGGAAGCTTGACCA
AAAGGATGATGATCGATCTCTCTCTTGTATAGAAAAT

>trans_s_9983 AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

TCTGTTAATGGTTCTGGGAATATGGCTGTTCTGCTTATGGGACAGCTACTTTACCCCATCAGGAGATTGATTT
GCTTACTCGGTGTCCTCTTAGGACTCGAATATTGC

>trans_s_9984 Novel Gene

TACAAGGGTAGACTAGCGCGTTAGTTTGAACCGCCTCTCATTGAGAAGTCTGAGAACGAGCTTGCAGATATAA
CAAGCTGCAACCTTCTCTGCTAAGATATAGCTGTTGG

>trans_s_9985 NM_001069890|Oryza sativa Japonica Group Os09g0455000 (Os09g0455000)
mRNA, complete cds

AACCAAAACAACAGAGGCACGCCAAATGTTAGAGAAGCGGGAAGCTCGATAAAACCGATTCTCGTGCAGAG
TGAATCTCAGAAGTTCTCTTGGATCAGCTCCGGGCAAA

>trans_s_9986 FN376377|Breonia fragifera trnT-trnL IGS, trnL gene and trnL-trnF IGS, specimen
voucher G:Ranirison 776

ACGGGGGCCGGAACCTTTGGGAGAGTCCGGGTCCCTGGCGACAGGCTGCTTGGGAACGCAAGGAATCTGGCT
CGGCTAAGTCCGTAGCGTCTACCGATTTCGCCATATCCCC

>trans_s_9987 AB061795|Bruguiera gymnorhiza bg55 mRNA, complete cds

ACAACGTCTGGGGATGGGCAGTCTTGAAGACCAGGAGCATGCAGTTACTATCCTCCTTTCGTTATGCTCTCAA
CGAGTTGAATATTGTGAGTTAGTAATGTCTTCCTTG

>trans_s_9988 XM_002319760|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS56),
mRNA

TCAGGCACTTGCAGCAAGGCCTAGTGGGGCTCCCCATGTGAGAATAACTGGTATTGATGACCCTGTGTCTAAA
TATGCCCCGTGGCGATTTTGGTTCTTGATGTTCTCCTAT

>trans_s_9989 AY315652|Pueraria montana var. lobata 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase
(Dxs) mRNA, complete cds

CAGTGGAAGAAGGATCGATTGGAGGATTTGGGTCTCATGTCATCCAGTTTCTGGCTCTTGATGGCCTTCTTGA
CGGCACCTTGGGACAGAGACACAGCACTTCTCCCGACC

>trans_s_9990 NM_101532|Arabidopsis thaliana HAC12 (histone acetyltransferase of the CBP
family 12); H3/H4 histone acetyltransferase/ histone acetyltransferase/ transcript> (HAC12) mRNA,
complete cds

AATGCATAAACTCGGTGAACTATTTCTCCCATGAAGGAGGATTTTATCATGGTTCATTTACAGCACGCTTGCA
GTCACTGTTGTATTCTGATGGTATCTGGAAATCGCTG

>trans_s_9991 GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete
sequence

AGAAGCCTACTCAAAGTATATGGAATAAATCAGTCCGACTATCGATACCTCCTTGTCTCTTCCCGCCACGA
GAAAGACGCTGAAAAATGAAGAGCGCGCGGAGGCTCA

>trans_s_9992 GQ418169|Brassica juncea yellow stripe-like protein 8.2 (YSL8.2) mRNA, partial cds

TCAATGGGTTCTTGAGGAATGCTTCAGGATCATATGTGGATGTTTCATAGAAATGCTCTTGATGTGAGTTCATC
GGCTGTGCTCATGGATGAGTTGACTTTCACGGGTGAAG

>trans_s_9993 Novel Gene

AAGGAAGCAGAGCTGCTGAAGGATGGAATTAATGCTGCAAAGTCTTGTAGCTGTTCTAAACAGAGTACGGTA
TCTACTGAGACCAATGGACCCGAACAGTTTGTCTGAG

>trans_s_9994 DQ414725|Cucumis sativus cultivar guonong25 raffinose synthase mRNA, complete
cds

CATAGCTCTTGATCCGAAGGAATTCGAGCTCATCACTGTTTCACCAAGTGACCACACTCACCCAACTTCTCTAC
ACTTTGCCCCACGGTTTAGCTGACCACGTAAGTGGTGT

>trans_s_9995 NM_001068087|Oryza sativa Japonica Group Os08g0326600 (Os08g0326600)
mRNA, complete cds

TGGATCTGGAAGAACTCATTCCCACACAATCAAAGTCATCATAACGTTGGAGGACTTCCCAAGGACATGAAA
CTGAAACTTATCGAGCCACTTAACTCCTCTTTAGAAG

>trans_s_9996 NM_001060924|Oryza sativa Japonica Group Os05g0102900 (Os05g0102900)
mRNA, complete cds

AGGGGTGAATCAGTTGATGATAAGATAAAGAAGCTTGATGTTGAACTCAGTAGATATAAGGAGCAGATCAAG
AAAACGAGGCCAGGTCCAGCTCAAGAAGAGAGAAGAGTC

>trans_s_9997 Novel Gene

AGTTCTTTTGTTGACACTTCAGACATCACTCAGGGGTCAAATGTTATTGAAGAAGTTGAGAACGAGGATAACA
AGGCAGTTCTAGAAATCTCTGGTGATATTGCTGTTGAA

>trans_s_9998 NM_116288|Arabidopsis thaliana KEA2; potassium ion transmembrane transporter/
potassium:hydrogen antiporter (KEA2) mRNA, complete cds

AAGCACAATTGAATGCATTGAAAGCTGAAGAAGATGTGGCAAATATAATGCTTTTGGCTGAGCAAGCTGTTG
CTTTGAACTCGAAATCATTTGGGAAAAGTGTGACATCA

>trans_s_9999 AY389624|Hyacinthus orientalis glycine-rich protein mRNA, partial cds

ACAGCCGCGGTCAATCCACGTGAATAAAATACTATGGGAGCCGCCATAACCATTCTGCGGCTTTGATTTATA
ATCAACTCTTTTTTGTAAGAAAGCCTTCGCAAAAGGTT

>trans_s_10000EU262259|Solanum nigrum leucine aminopeptidase mRNA, partial cds

GGATATTATCACTGCTTCAAATGGAAAGACGATTGAGGTTAATAACACAGATGCTGAAGGCAGACTTACTCTC
GCTGATGCTTTGGTTTATACTTGTAACAGGGTGTGT

>trans_s_10001Y15107|Glycine max tufA2 gene

AGGAACCGTTAGAGTGGGAGAGACTGTGGATATTGTGGGATTGAGGGAACTAGAAACACAACGTAAACAG
GGGTGGAAATGTTTCAAAGATTCTTGATGAGGCTTTTAA

>trans_s_10002HM991263|Pistacia vera NADH dehydrogenase subunit 2 (ND2) mRNA, partial cds;
chloroplast

GATGGCAGAGCCTTTTGGCGTGCATCGGAGATAGCTAGGATTTCCAGAAGAAGATGCCATTCGTTTGATGA
GAAATAAAAAGGAATATCGAAAATTCGAGTGGCTAAAGC

>trans_s_10003FJ750460|Artemisia annua 2-alkenal reductase (Dbr1) mRNA, complete cds

CATGGAATCTCAATCCGCCCCGACTTCCTATTCTCTGGCTCTTTGCTATTTGGGTTTGGAGTTGCTAAAGTGTT
GGAGTCTGCTCACTCGGGCTTCAGTGAAGTGCAAG

>trans_s_10004EU082812|Triticum aestivum xylanase inhibitor 725OS gene, complete cds

AGCTACTCCCCATCTCTCCGATGTACAAGGGGGGGGTTTATCGACCGATTTCTGTGCCCTCTACGGGATT
GAGAGTGATGACGAACATTTACAACGACTCTCGGCAA

>trans_s_10005XM_002867291|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle receptor
alpha subunit family protein, mRNA

GGATGGTCTATGATGATTTTGACGAACTTTTAGGCAACTTAGAATGGAAGCTGAGGCTCGTGCTAATGAGTT
GAAAAAAACAAAGCAGGTGGGAAAGGGAAACCCACCCC

>trans_s_10006AY109691|Zea mays CL1552_1 mRNA sequence

TCCCCGAAAGAAACACAGAACTTGGCAGGAGATATGGTGTTATTGAATGTGATCCACTTGTTTCGTCGAGGCA
TGGTGAAAACGCTGGGCACATGGTCACCTTACGCGCA

>trans_s_10007AF146276|Aegilops tauschii resistance gene analog PIC28 (PIC28) gene, partial cds

CGTCCCCAAAACAGAGAGCGCTGGGGATGTTTTGTTCTCATCGTTTTGATTGAACGTTCCGGTGAAGGAAGGGT
GCCGCATTTTCGCTCAAAGGGTTGAAGGGAGATAGTGCA

>trans_s_10008X63066|T.aestivum U6 snRNA gene

TGGGAGTTATATTCTCGTTCATGCCCTCTAGCCCACATACACTGCTTCCATATAGGGGCCATGCTAATCTTCTCT
GTATCGTTCCAATTTTATCGGATGTCCCCGAAGGGA

>trans_s_10009AB210221|Setaria italica GBSS1 gene, transposable element TSI-9 in exon 10

AGAGCCTGCGTGTAATCACTCGAGTACTCAATTTACCCGGCCCTATAAAATTTGGTGCAGCCTCAAGGTTTT
GCATGGTTCTCATTCGTGCTCTAATTCAGGGAACTGC

>trans_s_10010AY832627|Pseudotsuga menziesii var. menziesii haplotype Pm-F3H2_17 flavanone
3-hydroxylase 2 (F3H2) gene, partial cds

GTTCTTTGAATTGAGGAAGATTCCTGAGCTTTGTTTGGTGAATGTTGTGTCGATTACAACCTTTGTAGGATTTCA
TTGTTTATGAGGATGAATAGTTGTTGAGATGGACAGT

>trans_s_10011NM_001056062|Oryza sativa Japonica Group Os03g0243300 (Os03g0243300)
mRNA, complete cds

CACTTGTTACACTGACCTCACATTGCTATTTACAGCCGAAAGAAGGGCTTCCAGCTTCTCTAATCCGATGCTGC
TCCTCTACCAAAGTCAATGATATCTAGAGCAACATT

>trans_s_10012AL161543|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 43

AAGTGATGGAGACCATTAACAAGTAAAGATATTCTGACGTTATCATGTTGCACACAAATACAAAATGAACA
GAAAGCATGCAAAGATATATGAACATACATCACCTTCC

>trans_s_10013XM_002319627|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR923), mRNA

AGATATTTATGTCTTTTTAGCCTAGGAGTTTCCATGGAGTGACCAACTAAGATATTTCTAGCATTTTCAACACCA
TGAATTTTCATTGAGTAACCATACGCGCTGGGTCTT

>trans_s_10014NM_001055445|Oryza sativa Japonica Group Os03g0138700 (Os03g0138700)
mRNA, complete cds

CCTCGCCATTTCTATTGGTATTTTCGTTGCCGGAATTCCATTCTACCGCCACAAGGTTCTGCGGGAAGTCCGTT
TTCCCGAATGGGTAAGGTTCTCGAGACGGCTATGTC

>trans_s_10015Novel Gene

TAAGATTTATCTTACATTATTTTGTGTTGGATTTCGATTTGTAGAACGTCTTGTTTTAGTTTTTTTTGATTTTAG
GGTTCGTTTGATGATTAAGATGGATGGAAGCGCGT

>trans_s_10016Novel Gene

TTTTCATGGAAGGCAATTATCTTTAGAAAAAGGGAAAGCTAGATGCAATCCAGAATTCATCTCAAACTTTGAT
ATCTTCTTAAGGCTTCTAAAATTGACCATTTATTAGC

>trans_s_10017NM_001063852|Oryza sativa Japonica Group Os06g0256800 (Os06g0256800)
mRNA, complete cds

CAAGTACACCGCCGAAGCCGCGGCATTCATGCAATACATTCCTTCGGGGCAGTGGCATGGATGGGTAGGGG
AGCGTCCTGCACCCAGCGACTAGTATCCTATTAACAGCA

>trans_s_10018HM991263|Pistacia vera NADH dehydrogenase subunit 2 (ND2) mRNA, partial cds;
chloroplast

TAAAAAGGGCGCGCGAAAATTCGCTGTTTCGGGGCTAAAGCAGCTACTTTTGAAGTAACAGAAAGAAAAGCA
ACGACTGGAGTGGGAGATCCTTCGTATACGTCAGGAGTC

>trans_s_10019XM_002870830|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-glucoronosyl/UDP-glucosyl
transferase family protein, mRNA

AGAGAAGTTGCAAAACAGCGACGTTTACTACTTGTGCCATGTCCATACCAAGGCCATATTAACCCAATGCTTCA
TCTAGCAACATACCTACACCGAAACGGCTTCTCTCAG

>trans_s_10020Novel Gene

CGCTCGGGCATCGACCCGGAAGAATCAATTCCAAGCTTGTTGATAATCCATGATCAACTTCCTTTCGTAGTAC
CCTACCCCCAGGGGAAGTCGAATCCCCGCTGCCTCCT

>trans_s_10021CP001334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 16, complete sequence

TCGTCACTGGAGCGCCTAGGCAAACCTTCAACTCCAGGAGGTGGGACTCTTTATCCGAACGACCCAGGTCGACC
AACGGCCATCTGCCGAAGCCGTGTTCTCCTAAACAGT

>trans_s_10022NM_113232|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related
(AT3G23300) mRNA, complete cds

TCTGAGAATTTGGAGAGAAATGAGTGACCTTGTGGGTCGTATGTGTTGGCGAATTGCTGCCAAGAGAAACCA
GACTGTTATTTGGCAAAAACCCCTAACAAAACCGGTGGC

>trans_s_10023AF036569|Gossypium hirsutum D-subgenome alcohol dehydrogenase (AdhC) gene,
partial cds

CAGCAACGTTTCGCAGCAGAGATCAGAGTTCCTGTTCATACCATAGTCCAAACCACTCCTCCAATTGACCATTG
ATTCGTTTCAGTTGTGCAACAAGAACTCTCTGATC

>trans_s_10024U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

TCACACATTACCTTTATACAAATAACATGCTCCGCTACATTGAAGGATATGTTCAAAGGTGAACCCCGGGAAT
GCTCCTCTAGTTGTGGGCCAGCTGCTGGATGATGAGT

>trans_s_10025AF243520|Lycopersicon esculentum light dependent NADH:protochlorophyllide
oxidoreductase 1 mRNA, partial cds

CCGAAACTGGAAAATGGCATGTCATTATGGCTTGTAGAGACTTTCTCAAGGCTGAAAGAGCTGCTAACGAGT
GCCCCGTAAATGTTCCAAAACATGTGACAATACGTAAACC

>trans_s_10026AB063191|Cucumis melo CmEIL1 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

GGGACAAGATGACTGCCAAGGAGAGTGCTACATGGCTTGCTATTATCAACCAAGAGGAGATCTTGGCCCCGAG
AGCTTTATCCTGATTCTTGCCCGCCTTTGTCTTCACCAC

>trans_s_10027HQ537457|Arachis hypogaea cultivar Huayu22 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

GATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTCGTAAAAAGAGACACTACTACTTTTTGCTACTGCT
CAGACTAGAGATTAGGTAAGTGGAACGCAGTGGGGTA

>trans_s_10028EF137254|Nicotiana benthamiana Impa2 mRNA, complete cds

TGTTAAGCTACTCGCTTCTCCTAGTGACGATGTTGAGAGCAGGCTGTTTGGGCTTTGGGGAACGTTGCTGGA
GATCCCCCTACATGCCGTGATCTTGTTCTCCGCCATGG

>trans_s_10029XM_002873678|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata APG6/CLPB-P/CLPB3, mRNA

TCTGTTTTCGTTGGATATAGGCTTCAATAGATTGCCAGCATCCATTGCACCGTTTGTAGCACCTGCTCCAACTAC
AGTGTGAATTCGTCAATGAATAAGATAATCTGGCC

>trans_s_10030XM_001692345|Chlamydomonas reinhardtii fibrocystin-like protein
(CHLREDRAFT_171165) mRNA, partial cds

AGGATCATTTACTGAGGAATCCTGGACCAACGGCCCGTGTAACAACAAAAGCGATGATCAGGATCAGGTTCA
GGAGAATTTGTGTAATGAGACCTCTGTAGATGTCGACTC

>trans_s_10031GQ226036|Jatropha curcas stearyl acyl-ACP-thioesterase mRNA, complete cds

GGCGGACGCGTCGCTAATTGAAAAATTCTGCCGAAACACAAGACCATCCTGAACAATTCTCCCCAAACCAAAT
GGATCAATAAGCATGTCAGGGCGCCTAGGCTTCCAGTC

>trans_s_10032AY898810|Chlamydomonas incerta homoserine dehydrogenase (HSD) gene, partial
cds; and inositol monophosphatase (INM1) and GSP1 (GSP1) genes, complete cds

CTGCAGTTCCTCAATCATCTGATCTATAGATGTTGTAGTTTATTGGAGTTGTCATTGTAGGCGACAGGGGTCCAT
ACCAAGTTCGGGATGGATTTCCTTTAAGTTTCAGCCT

>trans_s_10033Novel Gene

AAACCACAATAGGGTTAGCCTAAAAAGCAGATTCAGAGAATCAACGGCAATGGAGAATGACAGAAGGCCTG
GAAGGAGCGACGCTCGTTTATCCATGGAGGAAAGGGAGAG

>trans_s_10034XM_002877833|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata carbonic anhydrase family protein,
mRNA

GGATTTATCGCCGATTTGGAGGAGGATTGCAATTACGGACATCCACGGCACGTCTGCCTGATGGACTAGATG
AAGCTCGGCTGCATATTGCTTTCGTTGAGACGGTGTTT

>trans_s_10035GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

AGGTGAATTACTTTCTTCGAGATATGATCCTTGTCGTCATGCTGAGAAGTTCCCGATGCCGCCCAATGTGCTC
AGCGGAAATTCTCTTCCCAGTCACTAATTTAGTCAA

>trans_s_10036Novel Gene

GGAGGGAGTTTAGTTAGCTGTGGAGTAGTTATCTTCTATAATTCACAAAGTAATTGTTGTAGTGCTATATATA
GTTGTTTCCATTGAGTAACAATAAATATTACGCCAAT

>trans_s_10037NM_128597|Arabidopsis thaliana chloroplast thylakoidal processing peptidase
(AT2G30440) mRNA, complete cds

AGTTTTATGAGAATGATTTTGAGAAGAGCAGTTGGGTTTCGCGCTTGTTGACTACTTATTCAGAGGATGCAAA
AGCCCTCTTTACGGCTTTTCAGTGACTGTGTAGAGGGC

>trans_s_10038AB267735|Chlamydomonas reinhardtii EYZ8 mRNA for dynamin related protein,
complete cds

GTAAATATTCCATTCCAAAGGAGAGGGACCTAGGGTGGACAAAGCCCCCCAAGAGCCAAGCATGACCGTCG
GCCTGCAGCTCAATGCACGTGAGGCAGGGGTCCTGTTCT

>trans_s_10039EU003996|Boea hygrometrica glycine-rich protein 1 mRNA, complete cds

TGTTTAGTCCCCTTCGTTTCGGGGACAACCCTCGCCCTCGTGCTCACCTCCTTCTATCCCTTTTTTCCCCTCTTA
CCCTCAGAACCCTCCCTGACCTCTTAGTAAGAATG

>trans_s_10040AC069325|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T10F18 From
Chromosome V, complete sequence

AAGGCAACAAGTTGGAAGACAGTTTAGCCAGTGAAAGAGAACAACGTATTGAGGCAGATGACAAGAACTCTT
TAGAGACTTCAGTTCAGTTGGATGAGAAATGCAAGGAAA

>trans_s_10041CT029973|Poplar cDNA sequences

ACTCACGACTCAGAGGTGGCTGCAAAGAAAACCATTAGTGGTGAACAACATGGTGAAACTGGTGGGGAAATC
TACTTGCCTGCAAGCTACGTGGAGTCCCAGAAGAGGTGA

>trans_s_10042NM_001049076|Oryza sativa Japonica Group Os01g0238900 (Os01g0238900)
mRNA, partial cds

ACGCGTGACCAACCGAAGGCCATTGCACTTATCGAAGGCTTTCAGGTTCAATTGTATAAATGCCTGCTGAGCTC
AATACTGTGCGATATTATTCATCGTCTTTTGCTCTC

>trans_s_10043Novel Gene

TCAGAGTCAGAGGGCAGTTGACTCATTGATCTTCAAAAGGAAGGTCTAGAGAAAAAGCAAAGCAGCAAATCG
GCATGAAAATGGAGATCCATTGGAGCTCCGAGCTGGATG

>trans_s_10044XM_002328239|Populus trichocarpa aromatic and neutral amino acid transporter
(PtrANT2), mRNA

ACGGTTCCTCCGAGATCAATTCTTTTGGTGATTTAGGATTTACAATCTGTGGCTCATCTGGCCGGGCGATCGTT
GATATTCTAATTATTTTAGCTCAAACCGGCTTCTATA

>trans_s_10045X63066|T.aestivum U6 snRNA gene

TGGGAGTTATATTCTCGTTCATGCCCTCTAGCCCACATACACTGCTTCCATATAGGGGCCATGCTAATCTTCTCT
GTATCGTTCCAATTTTATCGGATGTCCCCGAAGGGA

>trans_s_10046NM_180601|Arabidopsis thaliana CER1 (ECERIFERUM 1); octadecanal decarbonylase
(CER1) mRNA, complete cds

ACAGGGTATTGTCTATGTACTTGTACCTCATTCTATGGCCACACTTTTGTCTATGAAAGAAACAGTTTCAAGG
CACTCACATTGTGAAGTTGGGTCTCAAGGAATTTGG

>trans_s_10047AY056434|Arabidopsis thaliana AT5g24690/MXC17_8 mRNA, complete cds

GCCAGGAGGGTTTCTTGTCTCACTGTTACCGCTTGCAATGCTATAGTTGTTTGGTCACTTGCTCCTTGTCGTT
ATATGGAAATACATTCCGATTTGATTTGCAAATAA

>trans_s_10048XM_002955021|Volvox carteri f. nagariensis component of cytosolic 80S ribosome
and 60S large subunit (rpl38), mRNA

CATCCACAATCAGCATCTACGCGGCAGTCTCAGTTCTGCCACCAAATGCCGAAACAAATTCATGAGATCAAA
GATTTCTTCTCACTGCTAGAAGGAAGGATGCTCGTCT

>trans_s_10049AY094062|Citrus reticulata R1 mRNA, complete cds

CCACCAACGAGAATGATGCTGCTCCATCAGCGGTAACCTTTGTCAGAAAGCACTTTAGTGGTAAATATGCCAT
TGTATCTGAGAGACCTGTGGACAGGTCACAATCCGAAG

>trans_s_10050NM_001084046|Arabidopsis thaliana eukaryotic translation initiation factor-related
(AT1G11480) mRNA, complete cds

AGTTTGATAATGAAGAGACTGTTTTGACTGCCACCTCCCTGAAGACACCTTTTCAAGAGCACTAGCATGAGCA
AGCTTTGAGACAGCACTCGGTCCATCCCAAGCAGAATG

>trans_s_10051NM_119751|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT4G35850) mRNA, complete cds

GGTGCTATCTACATTCTGGAGATATTGATCGTGGTCATAAAGCTTTTGAGGAGCACTTAAATTCTGGGGGTTCT
GTAGCAGCTGAACTCTATTCAACGCTTGTGGACTCTC

>trans_s_10052HM124890|Cucumis sativus isolate Csa006744 cultivar 9110Gt TIR-NBS-LRR-
AAA+ATPase class resistance protein gene, complete cds

CACAAGATGAGGTGAATGTAAGTATGAGAAGCTGTGGTGTCCATGTCACTGAAGAGCTCCATGGGTTACAAA
CGGATCTCAACTGGCCGGTGGTAACCTTTTGAGTGCAAAC

>trans_s_10053EU447160|Vitis vinifera cullin 1 (cul1) mRNA, partial cds

AGAGAGTTTTATCAAACAAAAACCAAGCATAGAAAACCTTACATGGATTACTCATTGGGTACTTGTAACATCA
GTGGAAAATTTGAACCGAAGACTCTGCTCGACTAACAC

>trans_s_10054CP001331|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13, complete sequence

ACCGCCATTAAGTGGGTGGAGACCTGGTTCTAATGGCACGCTGATGAAAGCGAGGGTGGCTCCATACCCCTA
CTTGATTGAGATTGACTTTTTCAACTTTCTCTCCATAC

>trans_s_10055AB105430|Nicotiana benthamiana Hsp70 mRNA for heat shock protein 70, partial
cds

TGGCCTTCTAGATCTAGCACGAGTAATGGTGGAGTAAAAGTCAATTCCTTCATACAAAGAATCAATCTCAATG
GTGGTCTGAGCAGTGGATGAGAGAGTTCTCTTGGCTAT

>trans_s_10056EU003996|Boea hygrometrica glycine-rich protein 1 mRNA, complete cds

TGTTTAGTCCCCTTCGTTTCGGGGACAACCCTCGCCCTCGTGCTCACCTCCTTCTATCCCTTTTTTCCCCTCTTA
CCCTCAGAACCTCCCTGACCTCTTAGTAAGAATG

>trans_s_10057NM_201860|Arabidopsis thaliana zinc finger (B-box type) family protein
(AT2G33500) mRNA, complete cds

CAAGCATGTTCACTCTGCCAATTTACTCTCTCGGAAGCATGTTCGTTCTCAGATCTGTGATAACTGTAGGTCGG
AGCCGGTTTCACGGATAGTGGACCATTCGCCGAGATG

>trans_s_10058Novel Gene

CTGAGGTTATCATTTCTAAAGGCCCTAGGGATAGAGGGAAAGTGTGTGCATCAATTGCTCATTAAGTCTTCA
GGAGAATAATTGGAGGAAATAGCAACATAATCTATCCT

>trans_s_10059Novel Gene

GACTTGAGCATCAACAATGCCTTGCGCTCCAGAGCTGTAAGAAAATCATCGTGAGAAGATTAGAGATGTCAAC
ATGCATAAATTCAGACATACCAAGTTCGGGATGGATTG

>trans_s_10060AF030882|Zea mays SU1 isoamylase (sugary1) gene, complete cds

GCGCTGTTACTTTGAAGGATTAGCTGCCGGGAATATCTATCCATACTGCTCGAAGGGCTCGGACCAAGACCAG
CGTAGCACCAATCTCCGATGGTTGTCCTCCACTTATGT

>trans_s_10061NM_126473|Arabidopsis thaliana indole-3-glycerol phosphate synthase (IGPS)
(AT2G04400) mRNA, complete cds

CATCAACAATCGAAATCTAGAAACATTCGAGGTCGATATCAGCAACACCAAAAAGCTTCTTGAAGGAGAGCGT
GGACAAAAGATCCGCGAGAAGAATGTTCTCATAGTGGG

>trans_s_10062HM026707|Ranunculus parnassiifolius isolate SeqURR SSR marker ccmp2 genomic
sequence; chloroplast

CCGGCATAATAGCGCGCGTAGAAATTATTGTATTACTATATTTTAATATTTGATTGTAACGAAATCTTTCATAAT
TTTATTTGAGTTACCAATTTTTCTTTTTTCTTCC

>trans_s_10063L49152|Mesostigma viride large-subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast gene for chloroplast product

AGAGTGAGAATCTCTTTCACCGAATGCCTAAGGTTTCCTGAGGAAGGCTCGTCCTCTCAGGGTTAGTCGGGAC
CTAAGCCGAGGCCTCGCTTATGCTCGCTACCTGTGTGA

>trans_s_10064NM_001056080|Oryza sativa Japonica Group Os03g0246800 (Os03g0246800)
mRNA, complete cds

GGAGTTGCGTTCACATCTGATCCTCGTGTCTTCAGCCTTACAAAGATTGTTGAGATTGCGCACTATAACATGA
ATCGCATTGACTTGTATGGTCAAGGATCTGGCATGT

>trans_s_10065GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGAATCATCCTTTCTGCTTGAGCCTTC
TCTTCTCTTTCCACGGAGATGTGCTCCAATGTCCA

>trans_s_10066FN178652|Phaseolus vulgaris partial comparative anchor tagged sequence
candidate 12M-Gm, variety BAT93 x Jalo EEP558

TTGCCCAAATCATCAACATCCAAAGCTTCTTCTAAAGCTTGAGCTTGAGTACGAGCCTGCTCTGCCTTCTCAGTT
GAAAGATGCATGAAGTGCTTGATTACTTCCTCCAAG

>trans_s_10067NM_001073936|Oryza sativa Japonica Group Os12g0641500 (Os12g0641500)
mRNA, partial cds

AAGCCAAGGCTCTAAGCTGGAGTGGAGAAAGACATAAAGTTGTAAGTGTGATGGTATCCTGCTCACGAACG
AGTGACACGTCACAAGACATAGTACCACCGTTGGAAA

>trans_s_10068NM_121112|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related
(AT5G10740) mRNA, complete cds

TGAATTTGTGGGTCTAGCAACAACATATTGCTTTAACAACTATCACCAAATGCACGTGAAACAGCAAGAACAC
CTCCAACCTCTCCAAGTTCCAGCCCACATCACAATCCT

>trans_s_10069FJ581424|Glycine max argininosuccinate lyase mRNA, partial cds

AAGTAGCATAATGCCCCAGAAGAAAAATCCAGATCCAATGGAAGTGTTCGTGGAAAGTCAGCTAGAGTCAT
AGGTGATGTAGTAACCCTTCTAACATTGTGCAAAGGACT

>trans_s_10070GQ377447|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription
factor 27 mRNA, complete cds

TTTTGGAGGAAGTCGATCCCAAATTAGAGGATTGGTTACATGTGTGTCTTCCTCTGTATGTTACCTCGAAGATA
TTTGATCATTGTGCGGATTTTGAAGTGTGTTGTGCG

>trans_s_10071HM150714|Solanum lycopersicum CMPG1 gene, complete cds

GATTGAAGGAGTATCTGAAGCTTTAGTTAGCATTATCAGGGATCCTCTTTGCCCTCTGCTACAAAATCATCCC
TTACAGTCATTTCTTTGCAGACGACTTAAATACGCG

>trans_s_10072AY942801|Cucumis sativus male-specific 10-2 (M10-2) mRNA, complete sequence

GGAGTACCGTGTATGTCACAAACACCGACCCCATCAAAGTGAAGACGGTGGATAGACAACTAGATCTGGAA
ATTTATATGAGACGAACCTGAACTTGGACCTCCACCACA

>trans_s_10073Novel Gene

GACGACCTACCAATTGTAGAAGTAGGATCTTTGGCAAGCAATAAGCACTTAAATAATACAATTCGAGTGTACC
ATCTTCTTTCTCATTTTCGAGAGAAAGACATCCTCTCCT

>trans_s_10074GQ997259|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 photosystem II protein
L (psbL) gene, complete cds; chloroplast

AATCCGAAACGAACAAAATGTTGATAAGAATCGTACCAGTCTTTACTGGGGGTTATTACTCATTTTTGTACTTG
CTGTTTTATTTTCCAATTTAAAGAAAAGAATTCCAG

>trans_s_10075NM_100323|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related
(AT1G04430) mRNA, complete cds

AGGGCAGGCTTCTCTTCTGCAGCCACTTATGAAACTGAAACCGCATTCAAATTCTTTGAACCTCCTGATTCCGA
CCCCCTTCTAGCTCTCGCTGGTTCCTCCTCTCGTA

>trans_s_10076X79604|V.unguiculata (Red Caloona) AKCS9 mRNA

GGGGCAATCACGTCGGGGACGAACCCATCCAGCATTTGCTGCAACAAATTGAAACAGCAGGAAGAATGTCTT
TGCGGGTACATAAAGAACCCAGTTTTGGGGCCTAACCTT

>trans_s_10077XM_001697846|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ACCCGGGCTCAGACACCATATTTATGGAAGAGTTTAGGAAGAAGTTCAGCAGAAGAGGCTTAGGTGGTGGG
ATGACACTCATCAACAACAAAGTCATGTTACAGGGCAAC

>trans_s_10078NM_001058463|Oryza sativa Japonica Group Os03g0852900 (Os03g0852900)
mRNA, complete cds

AGGTCATTGATTTCCATCAAACAGTAGAAGTTAATGGTATTCGGTTTTGGTGTTACACTGCTGGTCATGTGCTT
GGTGCTGCCATGTTTATGGTGGATATCGCACCACAGG

>trans_s_10079EU982507|Panicum virgatum strain 1186 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

TACTACTGTAGGGAATCTTCCGCAATGGACGAAAGTCTGACGGAGCAACGCCGCGTGAGTGATGAAGGTTTT
CGGATCGTAAAACTCTGTTCTTAGGGAAGGGCCCTGGG

>trans_s_10080EU126544|Arabidopsis thaliana SMG7-like protein (SMG7) mRNA, complete cds

GCAGTTCAAAACATTTCTTTCTGAAGCTACTGGATTTTACCATGATTTAATATTGAAAATCAGAGCAAAGTATG
GGCTCCCTTTGGGTTTTTCTCGGAGGATGCAGACAA

>trans_s_10081NM_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

CGAGCTGAGTTATATTGACAAGTGGTTTCTTACTCAGTTAAAGGAGTTGGTGGATGTCGAGCAATACCTCTTG
GCTCAAAGCTTATCGATAGACTGTTTCCTCCTAAAGAT

>trans_s_10082XM_001697990|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGCCAGACCTTCTTCTTTGGAGGGTTGGCTCTTCTTCTCGTTCGTTCTTCCTTCATTTCCTCTCTTTCA
TCCAAGGTTTTGAAAAAAATTTCCGAACCTCC

>trans_s_10083GQ998373|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 clp protease
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

CGATATGAGAATTTTTTTTTCTAAACCATTAGGTTATGTATCGAAAGAGTAGTATGAGATAAAAGGCATTTCG
ATCACGAGCTGAGGGCGATATTCTTAAGAGGGGTCGC

>trans_s_100843IZ9|Chain A, Model Of The Large Subunit Rna Based On A 5.5 A Cryo-Em Map Of
Triticum Aestivum Translating 80s Ribosome

CGCGATCGTATCGGTCGATACTTTCATTTCAAAGCGAAAAAAGAAAGAGAGAATCACTCGATTCCATGTGCA
AGTGCCGTTACATGGAACCTTCCCCTCTTCGGCCTT

>trans_s_10085GQ435577|Luffa aegyptiaca voucher PS0469MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial cds;
chloroplast

GCGTCGCTGGCAGGGGGGAGTGCGCCACTTTATTAATAGTTACTCGTTGGATTTATTTGAGGCATTTACCAAA
TTACTAAATATACTTAGTAATGCGCCCTCCCTGCAAA

>trans_s_10086AY104714|Zea mays PCO124238 mRNA sequence

CGAAGCAAAAGCTAGGTTTGGCCACATTGATGGAGATCATCTTACGCTCTTGAACGTGTACCATGCTTACAAG
CAAAATAATGAGGACCAGTCATGGTGCTACGAGAACTT

>trans_s_10087NM_001068929|Oryza sativa Japonica Group Os08g0542700 (Os08g0542700)
mRNA, complete cds

ATGCCCTTTCTGATTGAACAAATATTGCAGAGGTGTTGCAGGAACTTCTTGATGTATTTCCCACTTGGCCATG
ACCACAGACTCGGTCAACTGTTGACGAAACGTGTGTC

>trans_s_10088AJ551209|Colchicum luteum chloroplast rps16 gene for ribosomal protein S16

CATAAGTTAAACTACAAGCATTCATATCCAAGCGGTATACAAATCGAAAGGATCCAATTCGAACAAGTTTCA
AATTCAAACATCACATTGGATTAAGGACACGCTGTGTA

>trans_s_10089XM_002963396|Selaginella moellendorffii trehalose phosphate synthase (TPS5),
mRNA

AAAGCTGTAGAAGGATCAACAAGGAGTATGGGCATCCTGGTTATGAGCCAATAGTACTTCTCGACAGGCATG
TGCCAATCACTGAAAGGGTTGCTTACGCGCTACGGTAGT

>trans_s_10090XM_002876469|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycine-rich protein, mRNA

CGAGCGATGTACGAATGGGGAAGGTTTTACCAAAGACTTACTGCAAAGAAGAAATATGATGAATTTTGGCTG
GAGAAAGCTATTATTAACACCCCAACATGGTGGGGCTGC

>trans_s_10091AY560003|Medicago sativa S-adenosylmethionine synthase mRNA, complete cds

CTCGCCTCACTGAAGTTAGAAAGAATGGCACCTGCCCTGGTTGAGACCTGATGGCAAGACCCAAGTCACTGT
TGAATACTACAACGACACGTGTATTGTGGTGTGTTGTGG

>trans_s_10092NM_116211|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein (AT3G63460) mRNA,
complete cds

ACTCAACTCGTTGTTGCTTCAGATGATGATAATCCCCCTTCCTCAGGCTTTGGGATATGCGTAATATTATGACA
CCAGTTAAAGAGAAACACCCGGTGTCTTCCTAAAA

>trans_s_10093NM_101417|Arabidopsis thaliana DNA binding (AT1G15480) mRNA, complete cds

CATGGATCCGTTGATATGGGATGCAGTTGTGAAGCTCTATGCGGAAGCAGGGGAGGTAGAAAAGGCAGACT
CTTCTTGTTAAAATCACCTGGTGGCGTAAAGTGAAGC

>trans_s_10094NM_118203|Arabidopsis thaliana TPP2 (TRIPLEPTIDYL PEPTIDASE II); tripeptidyl-
peptidase (TPP2) mRNA, complete cds

ATGCAAAAGATGTTGGGAAGTCTGAGGATTCTTTCGAAGAGAATTTCAAAGAACTAAGGAAATGGGTAGATG
TCAAGTCTTCTAAGTTTGGAACCTTTCGGTGTTGCGC

>trans_s_10095GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete
sequence

CACACACAAACACAAGTGTAAGTGCAAGTGTAAGTGTTACACAAAGAGTTAGAATTAAGAAGAAAATGGCAA
AATTGTTTCATGGCTTTTAGAGGTTAGAGGTGTTGTATC

>trans_s_10096AY105820|Zea mays PCO092604 mRNA sequence

AGGCAAAGGGAGGAAGAGCAGGAGAAAGAGGAGTCATCGGAAACAGGGGAGATCGGAGTCCGAGTACCG
TTTGTCTTTAACGCCGTCTTGTTGGGCGACCAACCCCT

>trans_s_10097NM_121465|Arabidopsis thaliana ATP binding / ATP-dependent helicase/ helicase/
nucleic acid binding / protein binding (AT5G14610) mRNA, complete cds

TCATCAGGAGAAGAATCGAAAAAGTTAACACGACGACAACACATGTGCCTACATCTATCGTTGCCTCATCGGC
GTCAAAACGAAAGACGGACGGAAAAAGACTCATGGGT

>trans_s_10098XM_002304310|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,
ABC transporter family, mRNA

ACGTGTGGTTCAACAAGCCTTAGACAGATTGATGATGAACAGAACAACTGTGGTGGTTGCACATAGGCTTTCC
ACCATTAATAAAGTGTGATCAAATCTCAGTGATTGTCT

>trans_s_10099XM_002889723|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MYB transcription factor, mRNA

CATGACACCAGCTAGGGATGCTTACTCGTTTGGCATGACTCCAAAAGGTACACCTATTAGAGATGAGTTACGT
ATCAATGAAGATATGGATGCAGATGATAGTGCGGGGT

>trans_s_10100AJ490363|Oryza sativa z159e snoRNA

TCTTCGTTTGATTCTTCAGTTCAGGTCTCCAAATTGTTCCGCATGGAGAATCTCGGAAGAACGAAAGTTAA
TTCTTTTAATCATCCTTAGACCTACCCACCTGTGTC

>trans_s_10101FN563080|Chlorophyta sp. CCMP1205 plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 1205

GTTGTGAGGTTAAGCGACTAAGCGTACACGGTGGATGCCCTGGCAGTCAGAGGCGATGAAGGACGTGCTAA
TCTGCGAAAAGCGTCGGCGGTTGTCGCGTCCAATGTACA

>trans_s_10102Novel Gene

GAAACCGTTCAAAAGTATCACTGATTTGATGAGCTTGCGTATGAACTTGAAGGCGATCCTCTGATAATGCTG
GATTGTGAAGTGTTAGGGTTTGTAATGCATCCCTTC

>trans_s_10103AC215397|Solanum lycopersicum Tomato chromosome 2, C02HBa0155C10,
complete sequence

GAAGAGGGAAACATCATCTTATTACTGGGTTTGGTGCTCGGGAGCTGTTACTATCATCGTATTACTCAAAGTGT
CAGCGGTTTCTAAGTGGTTAAATCAAATTTTGCCCCG

>trans_s_10104NM_001054196|Oryza sativa Japonica Group Os02g0664300 (Os02g0664300)
mRNA, complete cds

GGAGGCTAGGTACAGCTCTGAAGGTAGTCAATGATGTTATTGAAAATGGTGGAGAACCTCCCAAGAAGAAAC
TCTATCTTGACTTCAACAGAAACGAACCTTCTTAACCA

>trans_s_10105NM_114673|Arabidopsis thaliana ROP10 (RHO-RELATED PROTEIN FROM PLANTS
10); GTP binding / GTPase (ROP10) mRNA, complete cds

CTGGTGAGTGTCGGGCTGATGAAGATAAAATTAGCAGATTGATCAGAAATACACAATGATTCAGAGGTTGTA
ATTTGCAAGCAAGCCTTTCTCCACAACAGAGTTCAATT

>trans_s_10106FM211850|Ichnanthus vicinus partial pck gene for phosphoenolpyruvate
carboxykinase, specimen voucher TCD A.T. & S.S. 657, exons 1-9

GATGGAAAAAATCTGAGTTTGAGAAGTTCGGGAGAATTTTGGAGGTTGATGGTTGAGAGCGGTGGTTTG
GAAGCGAGAATTTGGTGGAGACTGATCGACTCCATTGT

>trans_s_10107DQ251455|Cucurbita pepo patellin 1 (PATL1) mRNA, complete cds

GAGGAAAAGAAGGAAGACTCTGAAAAACCTGCCGAAGACCCTAAAATCGAACAGGAATCCCAAGCTGTACCC
GAGGAACAACCTCTCAAGGACGTGGTCTGAAGAGCCTCC

>trans_s_10108NM_122513|Arabidopsis thaliana ASD2 (ALPHA-L-ARABINOFURANOSIDASE 2);
alpha-N-arabinofuranosidase/ hydrolase, acting on glycosyl bonds (ASD2) mRNA, complete cds

AAGATCAGGTAGATACATCCGACATCTCACCATTGTACAGGAAGCCCTTGACAGTATTGAGTTTGCAAGAGG
AGATTCTAGTTCTACTTGGGGCTCCCGGATTAGGAA

>trans_s_10109EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAACCTTCTTATTGGATGATCATTATACTTCCCAAAAATCGAAATTCTTGATCAATGGAGGAACAATATCACC
ATTTTGTTCACGCCTCGCAACCCTGTTCTGTGCCAG

>trans_s_10110NM_112204|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7D) (AT3G13580)
mRNA, complete cds

TACCTACTCTAGATCAGCGCAAATAATTCCAAACTTCCCAAGAGCCTGCTCAATGATGGAGTTATCAGTCAAAG
CTGTTCTTCGCTTGTTGAGCTTTCCAAAGCCTCTCT

>trans_s_10111Novel Gene

AGAACCAGAGGCTAAGAGATGGTGAGTTGGGCCTAATCCAATGCTCTGCTTTTGCAAATTGACTCTGTTTTGT
AAATTATGGATTTGGGGAATTGATTTTCAGGCGAAGG

>trans_s_10112AB498088|Arabidopsis lyrata At1g23760-like gene for BURP domain-containing
protein, partial cds

TTATGGTCAGAAATGGGAATGGCCAGAGCGTGGGATTCAAGGTGTATGGTGTGAATACGACGTTCAAGGATTA
CGCGAAACAGGGAATCACGGGGTATCCTGCAAGCAAAC

>trans_s_10113XM_003082753|Ostreococcus tauri Dynein 1-beta heavy chain, flagellar inner arm
(IC) (DY1B) mRNA, complete cds

CGGGGGCCTCGGGAAGAGTTATCTGTGGGTGATGAAAACATGAAATATCAGTTATCCCTGTCTGATTTTTCGA
TGCTGATGATTCATGATCTGACATTGAGAACCGCCCT

>trans_s_10114NM_128319|Arabidopsis thaliana SKD1 (SUPPRESSOR OF K⁺ TRANSPORT GROWTH
DEFECT1); ATP binding / nucleoside-triphosphatase/ nucleotide binding (SKD1) mRNA, complete cds

AGAGATGTATAGCAATTTCAAGGAGCAAGCTATTGAATACGTGAAGCAGGCGGTACATGAAGATAATGCTGG
CAATTACGCAAAAGCCTTTCCGCTGTATATGAACGCCC

>trans_s_10115AJ697696|Nicotiana benthamiana mRNA for ALY protein (ALY617 allele)

TCAGCTAGATGGGAAGCCCATGAAGTTGGAGATTGTTGGAACAAACATCGTTACACCTGCTGTGCCTGCTCCT
TCAAATGCTAGAAAACCCTTAGTATTACCTAAAGGCT

>trans_s_10116GQ292792|Gossypium hirsutum rhamnose synthase (RHM3) mRNA, complete cds

CTACAAGAGAAGTTGCTTTTGACATGGCTACGCACACTCCTAAGAACATCCTCATTACTGGGGCTGCTGGATT
ATTGCATCCCATGTTGCTAACAGACTTGTGAGGGGT

>trans_s_10117XM_002989068|Selaginella moellendorffii trehalose phosphate synthase (TPS4),
mRNA

TTGAGGGAGAGTTCGATAGATTTCTGATGAGGGAAACAGACTATGAAGGAAGAATCCAAGCTTAATTCGACT
GTAGCGTTTTCTCAAAAAAGTAGGGAGAACCATAAGGT

>trans_s_10118AY054153|Arabidopsis thaliana At2g17240/T23A1.10 mRNA, complete cds

AGAAGGAGAACGGGGAGGCAGGTGGTCCGAATGGCCCCGAGGAAGAGAAGCTCACTCGTCGCAATCCTCT
CGATTTCCCTATTGAGTGGAGAGAATTCTAATCAGGACG

>trans_s_10119AY968443|Seyrigia humbertii ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds;
plastid

AACTGCGAGGACCGGTTTCAGGAAGAGGTTGCTCCTGCCGGAGGGAGGTGCCTTCCAAACGTTCCGGTACTAAG
AGTGGGTTGATAACCCACAGCCGAAGGCATTCTACCCA

>trans_s_10120GU732428|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D4) mRNA,
complete cds

GGAGGAAGAGCAGAGAAAAGAGGACACATCGGAAACAGGGGAGATCGGAGTCCGAGTACCGTTTGTCTT
TAACGCCGTCTTGTTGGGCGACACAAATGGACCACAGGT

>trans_s_10121Novel Gene

GGATAAACCCCCACCCGCGAATTTGCTACAAAACCGGCTAACGGGGGTATTCCTGCGTATGAGAACATAGT
AATGGAGAAGGTAATAGCCAAAATAGGATTCGTTTTG

>trans_s_10122CP000589|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 9, complete sequence

ACCAACAGTAGAGTCGTAGATTCCGCACCAGATGTTCTAGTGATATATTGGGAAGATTCTTGAATGCACCA
GAAGAAAGTCTTGCCGAGTCGATGCGGTCCTCGCGCT

>trans_s_10123EU591530|Betula platyphylla cellulose synthase (CesA2) mRNA, complete cds

TTCCTCTTCTCATGTATTGTACCTTACCAGCTGTGTGTCTACTGACGAACAAGTTCATTATCCCCAGATAAGTA
ACATTGCAAGTATATGGTTTTTAGCCCTCTTCCTC

>trans_s_10124NM_001125641|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding
(AT4G34100) mRNA, complete cds

TGCTGTAAGAAGACCTCCAGGACAAGCTAACAGAAATTTTGCTGGTGACGCTAATGGTGAAGATGCGGGTGG
TGCCCCAGTACTTGCTGGAGCAGGTCAAATGTAATCCT

>trans_s_10125NM_001054625|Oryza sativa Japonica Group Os02g0742700 (Os02g0742700)
mRNA, complete cds

GACAGTCTCAGGTAGGTCATATGATGATCGTAAGCATAGTTACCAGTCCGTGCAGTGTCGGCGCACGATGGG
GGCTCTCCCGCGAGAGCGACAGCAGTTTTATTCCATAA

>trans_s_10126XM_002302165|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS49),
mRNA

AAGCCTGGAGAAGCACTCATAGTGAAC TTTGCTTTCTGCTTCACCACATGCCAGATGAAAGCGTTTCAACCGT
AAATCAACGAGACAGGCTTCTCCGAGCAACAGGAGA

>trans_s_10127XM_001696972|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TAAATGGAGGAATCCGGGAAGCGCCCCGAGGTCCAGAGGGCTCTAATGGTACAGTCCTTCGCGTTTGTCCGCT
CCCTAAAGACGCGCCCGTATGCCCCTCTGCAGCTGCCC

>trans_s_10128NM_001052286|Oryza sativa Japonica Group Os02g0126400 (Os02g0126400)
mRNA, complete cds

TTTGTGAGATTTTCATCAAACCAGGGAAGAAATTTTCATGACATTGTCGGTAGTGATATTATGTCGCCCCCTGAAG
TTTTGAAAAGGAAGTCAGGGGGTCTTAGTCTACAGT

>trans_s_10129Novel Gene

TATTTATGATGCATCTACTCGATCTAATTGGGGGTAGATAGGAGTTAATCCATAACGGAAGATATCAATTTGA
ATATCTGCCCCAATCTGATTATGTAAGAAGAGGTTTA

>trans_s_10130CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

GCAGTCGGGGGCATTCGTATTTTTCTCTGTGATGATGAAAAACGATGACGAGTCTGATCTCTAATCCATTCACC
CTTGATGACAAAACGAGGCATTTGTCTGAGAGAAGA

>trans_s_10131GU814014|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 NIC7p (NIC7p), SPS1p (SPS1p),
SPP1Cp (SPP1Cp), EIF5Bbp (EIF5Bbp), PTC1p (PTC1p), 182394p (182394p), 97782p (97782p), RFC4p
(RFC4p), 182392p (182392p), ALB3p (ALB3p), PSF2p (PSF2p), 182390p (182390p), 182389p
(182389p), HDH1p (HDH1p), TOC34p (TOC34p), PDK1p (PDK1p), CGL70p (CGL70p), NMDA1p
(NMDA1p), DRG1p (DRG1p), DLA3p (DLA3p), 522872p (522872p), LEU1Sp (LEU1Sp), SPL2p (SPL2p),
FUS1p (FUS1p), LPS1p (LPS1p), 522875p (522875p), PKY1p (PKY1p), MADS2p (MADS2p), UBCH1p
(UBCH1p), GCSHp (GCSHp), PR46ap (PR46ap), PR46bp (PR46bp), MTP0618p (MTP0618p), 155027p
(155027p), OTU2ap (OTU2ap), HGRP1p (HGRP1p), UTP1p (UTP1p), MTP0796p (MTP0796p), SAD1p
(SAD1p), and THI10p (THI10p) genes, complete cds

TAGGTGGATCATGGTAGCAAGATTGCAAGAGCTGTAGGTGCAGTTTTTAGTGC GTTATGTTCAAGTTGGCTGGA
TAGCCACGGGTACATATAATCTATTCTCCAGTTTGC

>trans_s_10132XM_002311679|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

GTA CTTTGT CATACGATCCAAATGCAACTCCAGGTT CAGAATGGAAAACCTCAGACATTAAACCATCTGGCTTG
TGCTTGTGCAGTGTGACCATCAAGGTTTGTGTTACC

>trans_s_10133EU375892|Nicotiana benthamiana PHO2 mRNA, complete cds

AATGCTCATGAATTTTGGCCTCAACAGTTCGTTATGGAGAAAGGCAATTGTGATGATTCAAGCATGTCTGTAA
ATCAAAGATTTTGTGGTGTGCATACATGGCACAGG

>trans_s_10134XM_002866990|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FAT domain-containing protein,
mRNA

TGATACACTGTTGGAGGAGAAAGTTGTAGTTGGAAGTGGTCGGGCATGCTATGAGACATTAAGACCATTAGC
CTATAGTTTACTAGCAGAGGCCACATGCTGCACTGAGA

>trans_s_10135AF229794|Vigna radiata beta galactosidase mRNA, complete cds

AATGAATATGGACCGGTGGAGTGGGACATAGGTGCCCCTGGTAAATCTTACACCAAATGGGCTGCTACCGT
TACGGCTCGAGGTCACACAAGACGTTGTGGGTGATGTG

>trans_s_10136NM_120948|Arabidopsis thaliana DEAD box RNA helicase (RH26) (AT5G08610)
mRNA, complete cds

CGTCGGTAGAAGCTCCGAGAGAGGAGGGTTTGGTGCCTCTAAGAGTCTTGTGAGGATGAGGCTGAACTCAG
TGATTGGGTAGTGACTTGAAAGCGTGATTATGTACAC

>trans_s_10137Novel Gene

CCTCTCTCCTCTCTGAGAAGCTGATTGTGGTTCATCTTGTTAGCTTGGTTGATAGGTATGCAGAATCTGAGGGA
AGTAGCTGAAAAAGAAGCCATTACCGTTAAATTATG

>trans_s_10138AB428381|Rosa hybrid cultivar RhXTH4 mRNA for xyloglucan
endotransglucosylase/hydrolase, complete cds

TATTGGCTTTCAGAGAAATAATAGATGGGTAAGTTGGGTTTTTGAAGGAACTGAATGCGGAGATACAGCCC
AGAACCAGCATGCTTGTCACCAGTCTGACCCGACAAA

>trans_s_10139XM_002868113|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT3g06720/F3E22_14, mRNA

CTCCGCCATGGAGCTTTGATTCCACTTCTTTCCCAGTTGAATGAGCATGCTAAGCTTTCTATGTTGAGAAATGC
AACTTGGACGCTTCAAACCTTCTGCAGGGCGTTCGG

>trans_s_10140NM_001067390|Oryza sativa Japonica Group Os08g0116700 (Os08g0116700)
mRNA, complete cds

TTTCATTATCTTCAGGCTGGAAAACCTCAAACCTAGCTTTATATGTCCCAGGTCGCCAGTCATATCAAGGAACA
TGACGTGAAAATTTCTGATGGATATTTGGATGTTGT

>trans_s_10141NM_001050784|Oryza sativa Japonica Group Os01g0749900 (Os01g0749900)
mRNA, complete cds

CGGGTTCCAGTCCAATTCTCTGCCCTAGCTCGCCGGGAATGCCAGCCGACGCCTTGTTCCGGTGGATCTCTCCG
TCTATTTTCATCCACGATGATCACATGACAAAGGA

>trans_s_10142Novel Gene

GTACCATTCGCGAGGTGAACAAGTAGAGTATACTAGGGCGCTTGAGAGAACCATGTCTGAAGGAACTCGGCAA
AATGACCCCGTAACTTCGGGAGAAGGGGTGCTCTCCTA

>trans_s_10143Novel Gene

AGTTTGGTCTCAATGGTGATTCCAACCACGAGACTCTGCTCACCATGTACATAACTGTCTAGATGTGTTTCATC
TTTCAAGGATTCTGCCCTTTCTCTTCAAACCTATCG

>trans_s_10144NM_001062060|Oryza sativa Japonica Group Os05g0409000 (Os05g0409000)
mRNA, complete cds

AAAGACAGTTGATTCTCAAACCAGCAGGAGAGGACAACCTGGGTGTGACCATGAGAAGCGGGAGAAGATTC
GATTAAAGAATGAGAAGAAACATCAAAGACAGAAGCGTT

>trans_s_10145GQ997614|Nelumbo nucifera voucher FLAS:S.B. Davis 1076 ribosomal protein S16
(rps16) gene, complete cds; chloroplast

TCCCCCTAGGGGAGGCTGCGCGGGGCCGTTTCGGAGATGTGTCGCACAGGGGCCGAACCGGTGATGTTTGAA
TTTGAAACTTGTTTGAATTGGATCCTTCGATTTGTATA

>trans_s_10146AL161492|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 4

TTTACCGTAACTTGTGCAACATGCGTTTCAGTGTTTAAGCCCCGCTTCCATCGGAGATTTTGGGGATTCTTCGA
TTCCAGTTTTTACCAGCGGTCCCTTAACTGCTTTA

>trans_s_10147Z99241|Medicago cancellata external transcribed spacer DNA and partial 18S rRNA
gene

ACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAGTCAAGAGACCTTTCCTCCCCTCGATCGAAAAATCAGA
CAGGGATAACTGATATTTTCATGTTTTTCATCACCCACA

>trans_s_10148NM_179665|Arabidopsis thaliana PIL5 (PHYTOCHROME INTERACTING FACTOR 3-
LIKE 5); DNA binding / phytochrome binding / transcription factor (PIL5) mRNA, complete cds

TGTGAATTGAAGGCATTGAAGGTTGGGCCATACCCATGCCCATAGCCATTCGAGACATGTAATGTTGAACGCT
GGGAAACATCATGGGCGCCATCCCACTTCCCATCCAC

>trans_s_10149EU082065|Triticum aestivum NADP-dependent malic enzyme mRNA, complete cds

CGAGGTCTCTATATGACAGCACCTGTGCTTATGCTCCAGAAATTACGACACCCAAACCAAACGGTCCGAAGAT
GTACGCGTTGTTGGACTGGCCAGGGACAAAGGTCTTC

>trans_s_10150Novel Gene

AGAAGAAAAGGCGCGAGGGTCTTCAAGCCCAGCAACTCCAACTTCCACTCACTCATCGGCAGTAGAAATCTT
CAACCTTGTAAGGAAGGTAAACCAGCCCATGGGTT

>trans_s_10151EU016838|Cycas micronesica ATP synthase CF1 epsilon subunit (atpE) gene, partial
cds; chloroplast

CTGAAAGAATAAGGGGAGATGTGAAAGGTGAAGTTTTGAACAACGAGGTTGAAATTTCTCAGGGAATGTCTG
ATAGCAACTTATTAGAGCCGTGGAGGTATATTAAGG

>trans_s_10152NM_105830|Arabidopsis thaliana S1 RNA-binding domain-containing protein
(AT1G71720) mRNA, complete cds

AAACCTGGGGATGTTGTGGTTGGTGTGGTTGTCTCGGGTAATGAAAACAAGCTGGATATCAACGTGGGGGCG
GATTTGTTAGGAACAATGTTGACAAAGACCTGTAGGAC

>trans_s_10153AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AGCTCCCAATCCCAAAAACTGAATCATTTCTTGATCTGAGAAGAACTCCAGATTAATAGGAAGGAAGCTTA
ATCAAAATGAATCAGAAACGGGGGGAGACTCGATCG

>trans_s_10154AY273734|Phalaenopsis mannii isolate 131 internal transcribed spacer 1, 5.8S
ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

CCAACCCCCCATACTAATTATTTTACAAAGCATTGGAGGTAATTCATTTTAAAGCTTGCAAAACAAACATAGTT
ATCGCTTTGACCGAAGAAGTTAAGGATGAAAGAAA

>trans_s_10155XM_002316107|Populus trichocarpa integral membrane single C2 domain protein
(NTMC2T5.1), mRNA

TCTGATACCGACGAACCAAATGGTGCTTATGAAGAGAGTGAAAACGACACAGTGAAAGCAACCGGCAAGGA
ATCATTTATGGACGTACTAGCCGCATTGATAGTGAGTGA

>trans_s_10156HQ450764|Nicotiana benthamiana phosphoglycerate kinase mRNA, complete cds;
chloroplast

CTCCCAGGAGTGTCCCAGGTTGTTGGTGTATGCAGCAAATGGTCTCTTAGGATTAGACACAGCTCCGACCAA
GTAGTCAAGTTCCTTCTGCATAAGGAAACCAGCAACA

>trans_s_10157NM_001073434|Oryza sativa Japonica Group Os12g0524700 (Os12g0524700)
mRNA, complete cds

CAACCAAGTTTGTTCAGTGGTCGTAACATCATTTTTTTCTTAGTGGGGATAAACTGGGCCGGGATGAAAAAGA
ATTGGGCGAATGTTTTAGACGAGAGAAGTGGAAGT

>trans_s_10158GQ998207|Euonymus americanus voucher FLAS:W.S. Judd 8071 ribosomal protein
S19 (rps19) gene, complete cds; chloroplast

AATTATGCCTAGCATACCATCCACATAAATTGGGAGAATTCGCACCCACTCGCAATTTCCGGGGGCATGTGAA
AAATGATAATAGACCTCGTCTGGTTATTGGGGCGGTA

>trans_s_10159FN544066|Cucumis sativus mRNA for ACC oxidase (aco1 gene)

TCTAGACAAAGTAGAGAAATTAACAAAAGAACATTACAAGAAATGTATGGAAGAGAGATTCAAAGAACACAT
AGCCAGCAAAGGACTCCCATCATGATGCCACTCCTGAC

>trans_s_10160NM_001049284|Oryza sativa Japonica Group Os01g0279700 (Os01g0279700)
mRNA, complete cds

ACTACTGTCCGAAAGATTATGCAAAGTATTGGATTTCTTGGCCCTGCATTCTTCTTGACCAATTGAGCCATGTT
GATTCTCCGGCGATGGCGGTTTTGTGCATGGCCTG

>trans_s_10161EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GGAAAAGTTGACAGATAAGTCACCCTTACTGCCACTCGACAGAACCGTACGTGAGATTTTCACCTCATACGGC
TCCTCGTTCAATTCTTTCGAAGTCATTGGATCCTTTT

>trans_s_10162AB267824|Ipomoea nil In25 mRNA for ataxin-2 related protein, complete cds

GATAGACTGCATTATTTACAGTCTCGTCAACATGACGCAGAAAGAGAATTGAAACCATGGATACCTGATGAT
GATGACCCTCAATTTCTGAGCTGGATAACATATTTG

>trans_s_10163AJ583670|Lycopersicon esculentum fsm1 gene for SANT/MYB protein, exons 1-2

TGTAAGTGATATAAGAAGTTTTTTTATTGCAATATTTTGATTACGTCATCTAATTTCAATTCCTTTGTTATTTTG
ATTCCGATTGTATCTACAACGTTTTACCCCCAAA

>trans_s_10164NM_129647|Arabidopsis thaliana DPE2 (DISPROPORTIONATING ENZYME 2); 4-
alpha-glucanotransferase/ heteroglycan binding (DPE2) mRNA, complete cds

AAAGATGTCATCTTCGGAAGAAGTTCAACTTTGAGCATAGAAAGACCACTAGGAAATTTCAATTCATAGTTTGG
ATGAGGATGATTCTGTTCTTGTCCATTTCAAAATTTG

>trans_s_10165DQ233255|Gossypium hirsutum ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase
activase alpha 2 mRNA, complete cds

CAGCAGGTGAGTTTGCCTATTCCTGAAGGATGTACAGACCCAAATGCAGATAACTTCGACCCAACAGCCAGGA
GTGATGATGGAAGCTGCATAATACATAAAATCCCCTT

>trans_s_10166NM_102012|Arabidopsis thaliana calcium-binding EF hand family protein
(AT1G21630) mRNA, complete cds

CGGCAGGATCTCAGAACTCTGTTTCTGGACAGTCTCAGCGTCCTTGGCCTAGAATGACACAGACTGATGTGCA
GAAGTATACTAAAGTTTTTGTGAGGTAGATAAGGAA

>trans_s_10167CP000586|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 6, complete sequence

TAATCACAAATCAAAAACAGCCCCCACTTTCCGTTCCGGACGCCGCTGCGAACGCGTCAGGTGCCGCTCCAGG
CGTGGGTCGCGCCCGCGGCTATCACATCTCTCAATAC

>trans_s_10168NM_001060653|Oryza sativa Japonica Group Os04g0656100 (Os04g0656100)
mRNA, complete cds

CTGTCGACAATTTTTTTTGTAAACGATCGTCCTTGAATATTGTAAATGATCAACATTTGTGGTCTGCAATCGGGT
GGAAGTATTGATGCTTGAGGCGTGTTGACTTGTG

>trans_s_10169EU267121|Jatropha curcas microsomal omega-3 fatty acid desaturase (FAD3)
mRNA, complete cds

ACAGAGAAGAGAAAGACGATCTTCCTTTACTAACTGAACTTGCTGCGGACTGTGTGGAAACGCTTCTTGCATC
ACTCTCCAGTTCTTTCAGATTCCGTTTCAGTTTGTGA

>trans_s_10170AF369707|Capsicum annuum importin alpha 2 mRNA, complete cds

GGAGCATTGCTTCCTTTATTAGCACAGTTGAACGAGCAAGCTAAGCTTTCTATGCTGAGAAATGCTACCTGGA
CACTATCAAATTTCTGTGAAAATGGATTGTGGTTCAT

>trans_s_10171NM_125214|Arabidopsis thaliana RPT3 (REGULATORY PARTICLE TRIPLE-A ATPASE 3); ATPase (RPT3) mRNA, complete cds

AGTACTATTAATCGCGAGCTTCTTAAACCCTCTGCCTCTGTCGCTCTGCACCGTCACTCTAACGCTTTAGTTGAC
GTTTTGCCTCCTGAGGCCGACTCTAGCGCGCTCTC

>trans_s_10172XM_002866092|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

AACGATAACTTCTGCGATTGCCCTGATGGCACTGATGAACCTGGCACATCTGCATGCTCGAATGGGAAGTTCT
ATTGTCGAAATGCAGGGCACGCTCCACTTTTGTGTT

>trans_s_10173NM_001035676|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing
protein (AT3G23900) mRNA, complete cds

GTGGAACAGCTGAAGCAGCTTTTTAGTTTTGTGGAAGTGTGTTGAATGTACCATTACTGATTCAAAGCATT
TGCTTACATAGAATACTCAAAGCCCGATCTTCGAAG

>trans_s_10174Novel Gene

GATTATAGCTCAAACCTGGAAATTTGGATCTAGCCTCTTGCAAGGATGTGGAAGTGTGCCTCGAGCTGAAGTT
GCTGCAGAAAAATCCCTAACTTATGGTAATAAGAACA

>trans_s_10175XM_001785674|Physcomitrella patens subsp. patens PHOTB2 phototropin B2 blue
light photoreceptor (PHOTB2) mRNA, complete cds

ACGGACGGGCTTCGACTCGGTTCTCTCGTGTCTGTAAACCGTGTCTGTAACCAGGCGTTGGGGTGCTGTGCC
AACGATACGGCGCGCAGCGAGAGCCAACCACTCATCA

>trans_s_10176NM_001054625|Oryza sativa Japonica Group Os02g0742700 (Os02g0742700)
mRNA, complete cds

GACAGTCTCAGGTAGGTCATATGATGATCGTAAGCATAGTTACCAGTCCGTGCAGTGTGCGCGCACGATGGG
GGCTCTCCCGCGAGAGCGACAGCAGTTTTATTCCATAA

>trans_s_10177U21139|Pisum sativum chaperonin precursor mRNA, chloroplast gene encoding
chloroplast protein, complete cds

TGGTGCGAGAGGGACCGCTAATGTCCCTTCCCTCTTCAAGGGTCACCACACCCTTCCTTCTACCTTGCTCATG
GCTTCAGCAATCATACTACCCACTTCATGGTTGTTT

>trans_s_10178Novel Gene

TCTCTACTTTACGGAACTTACGGCGGGAGCGTACATCGTACAAAATTTAGCAGAGGGCGGCGAGAATACTGCC
ACTATCGGGGTAACGAGCATAGCTCGGTGATGATCCC

>trans_s_10179AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

TCTATTCTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACACTTTCAGACTAAACGGACTGGGAACGGCTCCTTT
GGGGGCCTTCCCCGGGCGTCGGGTGTGACCAGACTC

>trans_s_10180AM919447|Cosmarium reniforme chloroplast partial 23S rRNA gene, strain SVCK 34

TCACCGAGCCTCTCTCCGAGACAGTGCCCAGATCGTTACGCCTTTCGTGCGGGTATAGGAAGAGGGACGGCTT
TCTGATGTTCAAGATGTGAGACTGAAACCTTTTCGAT

>trans_s_10181Z21719|L.esculentun anther- and tapetum-specific gene for a glycine rich protein

ATAATCTTTATACACTCGAGAACAATATGATCAACTACTTCATAGCAACTACCTTCTTATTGTGCTTCATATA
GCGTCTTTTGTTGGTTGACGAAAAGGGTTAAAAAG

>trans_s_10182AM711639|Cuscuta gronovii complete chloroplast genome

TGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGAGGTCGCCTTCCTTGAACTATACCAAAGGTTTAGA
AGACCTATGTCTATCCATTAGACAATGGACGCTTTTA

>trans_s_10183AY335818|Gossypium hirsutum beta-D-glucosidase mRNA, complete cds

AGGGACTCACGCTGACAACCTGGGCTATCAATGCGGAGGCTGGACAATCACATGGCAGGGTCTGAGTGGCAA
TGATCTCACTGTTGGTACTACCATTCTCAATGCTGTGA

>trans_s_10184Novel Gene

TTGGGAAGGTCTTTTAAAATGAAACCTCAGTCTAATCCACGTAACCTCATATAAATGCCATTCCACCAAGTAGGT
TCTCCCTGAAGCAGGGTCTTGCTTCACAACATCTC

>trans_s_10185NM_001188728|Oryza sativa Japonica Group Os08g0517200 (Os08g0517200)
mRNA, complete cds

AACGAGTTCAACGCCCCGAAAACCTGATGAGAAGAATATATTCAAAGGAGTCACGAAGAATTACCTCTTTATTG
GTATCATCGCAATATGACAATAGAGAACTTGTCGCCG

>trans_s_10186GQ998471|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 photosystem II
protein D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

AGTTTTTGTCTGTATTCTGATTTATCCACTATTGTCAGTCTGGTTGGTTCTTTGCGCCTAGCCCCAACACGC
GTCGCGCGCCCTAGCCTGCCCTATTTTCCCCTT

>trans_s_10187Novel Gene

CGAGACCTTAACCTACTAAGTTATGGTAATTCCTTTGACAGGGTGGATGGATTGTATAGTAGGGAACATCGTG
ATGCTTCATTAGCTAGGTGCATATCCCAGAGGTCCGA

>trans_s_10188EF570266|Rhizomnium punctatum microsatellite rhu8 sequence

GGGTAGGGTCAATTAGGAATTTCAAGATGCAAATTGATCTCTCTCATTCTGTATGGCCTGATAATGCAACAG
CAGAAGCATCTTCCAGCTCATATGGATGGTACTGATG

>trans_s_10189XM_002527818|Ricinus communis carboxyl-transferase, subunit of Het-ACCCase,
mRNA

AGCCTCTGACCGAGAGACCAAAACCTGTCACACTTCCATTTGAGAAGCCTCTGGTAGATTTAGAGAAAAAGAT
TATTGAGATTCGTAGGGGTTAGTCCGAACAATTGGGC

>trans_s_10190XM_003083151|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot15g00560) mRNA,
complete cds

ATTAACAAATGGAAGAGCTCAATTTATATTGTCACCTCCGACACGAGGTTGGTACCACAAAATGGGGTGATA
TGC GTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCT

>trans_s_10191tpg|BK001244.1|TPA_inf: Oryza sativa (japonica cultivar-group) ribosomal protein
L3B (RPL3B) gene, complete cds

CCAGTACGAATACGAACCGTGATGGAAGTCCATTACAAATAATATTAACGCCGCCTGCCGTCGCGACCAAGC
ACAGGGAGTGCTCGCCACCTGGGATGAATTGTTCTTT

>trans_s_10192AB112080|Nicotiana tabacum mRNA for 24K germin like protein, complete cds

CTTGATGCTGTTACTATCAAGAAGTTGAAGGGTGT TTTGGGTGGAAGTGGCTAAGAGATTTTAACTGTGGAT
TCTTACACCCACCCGGGGCGCGGCGCGCTTTCACTCT

>trans_s_10193EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete
cds

ACAAGAACTTGATTGAGGTGTTTGTCAAGGGTGTGACAAAGAGCATGTCATTCTGCTTGCTGCAAGGGCATC
TAGGACTGAAAACCAGGATGCAATGTCGTAGTAACGT

>trans_s_10194XM_002873176|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase M50 family protein,
mRNA

AGCACCAGGTAGTCCATCTTTAAGCAACTCAAGGTTGTCAAAAGTCGATAGTAAATTGGATTGCAATGCAGGA
ACATTTCGGAGGAGTAGCGTAAATACAGTAACCAGGC

>trans_s_10195Novel Gene

ACGATAAGACGATCAGACGATCAGACGAGATTTTCATCGTCTTCCGAATCTAGTAATATGGAAGTGGTACCTAC
GGCAAAGAATTTGAGAGTTTCTTCTTTCTAAGAGGTT

>trans_s_10196XM_002300070|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP89A25), mRNA

CAGAGATTAAAGGAGTAATGGGAGATGGGTCAAGAGAGGAGGTGAAGGAAGAGGAATTGGGGAAACTTCC
ATATTTGAAAGCGGTGGTTTTAGAAGGATTAAGAAGACAC

>trans_s_10197XM_002885409|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TGAGAAAGAAACCCTACTACAACACCGACCTGGAGTCGGACAGGCACCGGAGCCGTTGAGTCTTTTCAGTC
ATGATTCGGGAAGTAGCAGCTTCTAAACCTTCCTCCGT

>trans_s_10198XM_002882637|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CYP77A6, mRNA

CGTTCATCTGATGCTGGCGAGGTTGGTTCAGGAATTTGAATGGAGTTCGTATCCGGCGAATAGCGAATTGGAT
TTTACGAAGAAGTATGAATTTACTGGGTGTATGTTCT

>trans_s_10199Novel Gene

AATCAACTTTCCGGCTTCGCGCAAGAATGGAAAAGTGGAGCATTTTCTGCATCAGTGGATGATAGGCTTTCTTC
GCTTTCATCAGATCCCAGCAACCAGGGTACCCTTTGA

>trans_s_10200FJ565612|Hirtzia benzingii voucher Whitten 2734 FLAS 18S ribosomal RNA gene,
partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed
spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGAAGATGACGATGTAGAGATGAACAACAACGGATCATTGGAAAGTAGAAGTGTTCAGTTGCGACAGTTT
CAGCGATAATGGAGACGACTCTACCGCCACGACACAGT

>trans_s_10201Novel Gene

TTGGGAAGGTCTTTTAAAATGAAACCTCAGTCTAATCCACGTAACATCATATAAATGCCATTCCACCAAGTAGGT
TCTCCCTGAAGCAGGGTCTTGGCTTCACAACATCTC

>trans_s_10202XM_002893541|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycyl-tRNA synthetase, mRNA

AGTTTATTCACAGTTCCTTAGAAACCGCTTCACCCAATGGAATTTTCCTTGCAGATTTACCAGACATTTGCTCC
TCTCTTGGAACATCAAAAAGTCCAAATTGGCAAC

>trans_s_10203AF432345|Tortula ruralis 26S proteasome regulatory subunit IV (RPT2) mRNA,
complete cds

CTATCGTGCAAATTGCTTTGATATCAGCCCCAGAAAATTCATCTTTGGTCATTACAAACTCTCCAAGTTCACAT
CGTCAGCTAGCGTCATTCTTGATGTATGAATCTGA

>trans_s_10204Novel Gene

CGATTCCACTACTCTCCGAGGGACAAAAGTTTCGCGTCTCTCTGAACTTGATTTTTATTCGATTTTAGAGCTG
GGTTTTTCATTTACTGATCTTTTGGGCGTGCCCAA

>trans_s_10205EU019585|Glycine max WRKY49 (WRKY49) mRNA, partial cds

CCCCGTTGTTGACTGATGGGTCACTACCGATAATGGGCGAATCGCGGCCGGAGGATCGTTGTTGGGGAATG
GACGGCTGAGGGAATGGCTTCCACTGCCACGTGCCGGT

>trans_s_10206AY109995|Zea mays CL9999_1 mRNA sequence

CACTTCGACTTCTACACCGCAAGAAAAGTCGTGATACATTGGGACTTGCACTGCTTGCTTAGAATGAATGCTTG
TGGACAATACCAAGTTATATAATGTGGTGTGAACTG

>trans_s_10207HM122683|Malus x domestica SCL domain class transcription factor (SCL9) mRNA,
complete cds

AAGGAAAGGGAAGAAAAGTAGTCGTTCTAGGAAGCAAGAGAACAGTGTGGAAGTTGTGGATTTGTGGACAT
TGTTAACTCAATGTGCTCAATAGTGGGACCCGGCATCGA

>trans_s_10208NM_001052772|Oryza sativa Japonica Group Os02g0203300 (Os02g0203300)
mRNA, complete cds

AATACGCTTAACACAAAGGGAGAAAAAGGGGCGGCGACGGTCCAACCTTTAGATGCTCGTTGCCGCGTTTGTG
GCAGCCAAATGCGTCGCCATCGCCTGCGGCAAGGGAAG

>trans_s_10209Novel Gene

TGCCCAGCGGTGCCAAAGCGCCATTAGCAATAGCCGCTGCGATTAGCGTTATCAGAAGCACCGGAGCATTAT
ACGCCGCCGTCATGGCTTCAACTTGGTTCGTCGGATC

>trans_s_10210NM_001068311|Oryza sativa Japonica Group Os08g0407600 (Os08g0407600)
mRNA, complete cds

TAATAATTAAACCGACAACCACCCTCCTCCCTCGTACTACCTCCACGATACCTTTCTCGACGGACGTTGACGTAC
TACTTGTTACCAAGCCAAGCCAGACGGTGCTTCTT

>trans_s_10211DQ792722|Glycine max transcription factor bZIP54 (bZIP54) mRNA, partial cds

CGTGCGAAAGCAGAGACAATTTGATGACTGGCATTACAAATACCAGCAGCGGAGAATGCCAGATGAGTTGGA
CCCCGAGAAGTCTGACTCCCCAGACACTTCATAATGTC

>trans_s_10212XM_002869593|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata multidrug resistance protein 2,
mRNA

AGTTATGAAATCATTCATGGTTTTGATAGTAACTGCCTTAGCAATGGGTGAAACTTTGGCACTGGCTCCTGACC
TTTTAAAGGGAAACCAAATGGTGGCATCAGTGTCCA

>trans_s_10213NM_001070156|Oryza sativa Japonica Group Os09g0508000 (Os09g0508000)
mRNA, complete cds

AAAAGCAGAAACGCCGCTACGGCGGAGCAGATAGCGTTCTCAGTGAACAGAACAAACAAATACGGAG
TGTAACAAGTTGGAAATACCTTCGGTGGACAAGGCAACTA

>trans_s_10214GQ997194|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 RNA polymerase beta"
subunit protein (rpoC2) gene, complete cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCGTCTAAAGACTCTGGGGTTCCAGCA
GGCCACTGCTACATCCATTTCAATAGGTTAACTACTA

>trans_s_10215NM_001054869|Oryza sativa Japonica Group Os02g0786300 (Os02g0786300)
mRNA, complete cds

TAGCTGCTCTGAGAGTAGTCGAGAGGCTCTGCCATTGGTGGTCGTGGATCGGAGATGACAATTTCTAGGGTT
CCGATCGAAGGATGTGATGATGTTGTGAGCAAATCAGG

>trans_s_10216FJ501362|Anna submontana isolate G69E internal transcribed spacer 1, 5.8S
ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

AGAAGGGTTTACAACTCCATAAAGCTCAGATGTGCGTTGATTTTTAGCTTCTCTCTCTCTCTCGAGAGCCGAG
ATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTTCGTCCGAGA

>trans_s_10217XM_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

CAGCCTCTAGTGGATCCTTGCGGTCGTTGACCATTGCAACTGCCATGGTTTTGGCAACAGAAACCTTGCTTTA
CTGGGCAAGCTATGCCCCAGTTGCAAATGGGGTA

>trans_s_10218XM_002864932|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata E1 subunit of 2-oxoglutarate
dehydrogenase, mRNA

AGTGGCGCCAAACCTTTCATTTCAGATGTAGTTGTTGATCTGGTTTGTTATCGTCGGTTCGGACACACGTCTCGG
TCGTCTAACGATGGACACACCAAGCCTCGTGCTCAG

>trans_s_10219GQ997230|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

CAAAAAAATCAGGTTACATAGAACAAAAATGATACGAATTATTTTCCTTGGTTAAACAACAGTTGTAGTTTTTC
CAATATTTGCGGGTTTTTTACCCGTTTTTTGGGATG

>trans_s_10220AF490474|Hordeum vulgare subsp. vulgare cultivar Igri CONSTANS-like protein
(CO4) gene, complete cds

GAGAACAACCTTCCTATCCGACGACAAGTGCTCGAAACCAAATTCGCGAAAACGCTGCCCCAGTGAGGTAGAG
ATTAGCAACCGAGTGGTGTGTAAGGGTGAGTGAATCA

>trans_s_10221XM_002891532|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 10-formyltetrahydrofolate
synthetase (THFS), mRNA

ATGCCTATTTAAATGAAAATGTTGGTCTTGTTGAAGCTGGGTGTGTTACGGGTGCCAGGCATATTGCAAACAC
AAAGGCTTATGGTGTGAATGTTGTGTGGTAGTGACC

>trans_s_10222XM_002875090|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cullin-associated and neddylation
dissociated, hemivenata (CAND1), mRNA

CGGCATTGGTCTATTCTGCAAATACAAGCTTTGATGCCTTGCTAGACTCTCTTCTTTCATGTGCTAAACCATCAC
CCCAATCCGGCGGTGTGTGGTTTGTGGGAAAAAA

>trans_s_10223CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

TCTTCGTCCTTATGCATTCTTTCAGGATAATGGGGTCCATCTCGCTCCTTCTCGTGGGAAGGCAATATCTTC
AGGATGGACTTCGGGGCCGAGAAGAGGGAAGATA

>trans_s_10224HM122520|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL9)
mRNA, complete cds

AGGAAGTTTCACTACAGCTGTGTTCCCTTGCCAGATTTAGAAAGGGAGCTTGTAGGCGTGGGGATATGTGT
GAATATGCACATGGAGTGTTTGAGTGTTGGCTACATC

>trans_s_10225EF473701|Acrostichum danaeifolium ribulose-1,5-bisphosphate
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

TTGGTGCACTAAGGTGGAGGGAAAGTTAAAAGTCTTGTTTTTCTTCACATTAGTTTTTGTAGCATGTTATTAT
TATGAACATACATTATTATATTCTTTAAGACACCG

>trans_s_10226Y18343|Oryza sativa mRNA for transportin, partial

TGCAGCAAATAACTTAGAGAAGAATGTTTTGAATGAAATTGAGAGAATGGGTGATAATGAACTGATTTTGG
GTGGATCGCCGGGTGCAATATGGAGTGGTGTCTAAGA

>trans_s_10227HM122552|Malus x domestica GATA domain class transcription factor (GATA10)
mRNA, complete cds

CAAGCCGTGCTTTTGCTTTTAGGTGGATATGAAATTCCTTCAGGTATTCCTGCAATTGGAAGTGTCCCGTCAA
CCACACTTTGTAATCGTTAGGGAAGTGAAGTACTTGATT

>trans_s_10228AY093684|Atriplex centralasiatica betaine aldehyde dehydrogenase (BADH) gene,
complete cds

GGACACATATTGGACTGATAGGTTAATCCAGGGCATTGCTGAAGATCAATTATCTTTTGAAAATCAAATGAA
ACTGTGGATGCTCACGTCCAGACTGCAAGTGAAAGG

>trans_s_10229FJ895886|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf2 (ycf2) gene, partial cds;
chloroplast

GACGCAAAAATCCCATCAATCGAATCGCTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGAT
ATATTCATTGATAAGAAAAAATGTGAACGGTGATTG

>trans_s_10230Novel Gene

AGTGCAACGAAAGAAATCCATATTCAAACCGGATCGAGGCGACTGAATTGTGGACCTCTTGATCCTAACTAC
GGGGTCTGAACACTGATTTTTGTTTTTGGTGCGCT

>trans_s_10231GQ997855|Rhododendron simsii voucher FLAS:M.J. Moore 324 23S ribosomal RNA
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TCCCAAAGAGTAACGGAGGAGCACGAAGGTTAGCTAATCCTGGTCGGACATCAGGAGGTTAGTGCAATGGC
ATAAGCTAGCTTGATCACCGATGGCTGTTAGGTTACAC

>trans_s_10232Novel Gene

AGATGAATATCAATCTGGTTCGTATTCACTGAGCGTCCCGTTTTTCTTAATTTTTGAATCGAAGGGTCCTATGG
ATGGGGCGCCCGGAGCCGACCGTATATTTTGCTCC

>trans_s_10233NM_123342|Arabidopsis thaliana 5'-AMP-activated protein kinase beta-1 subunit-
related (AT5G39790) mRNA, complete cds

TTCTCCATCCACTAAGAACTTGATTTTCGTACCTCCCAGGTCTAAGCCTTAAAGTTGTTGAGAACTTAGAGTAAG
CTCCAGTGTATTCAGGTGACAAATAGGCCCAGCAC

>trans_s_10234AF017157|Cucumis sativus 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGTTAGTGGCTACTAAGCTATTTCTTTGGAAAGCTCCTACTAAGTATGAGGCAGTATTTGCCCCTGTCGATGCC
TTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCG

>trans_s_10235FJ436983|Triticum aestivum cultivar Chinese Spring hexose carrier, LR34,
cytochrome P450, lectin receptor kinases, and cytochrome P450 genes, complete cds

AGCTAAACTAAATATTGAGTCTCTCTCCATTTTACGATTTCCGTTTTATTCTCGGTCCTTAACCTTCTCCATCTTC
TTCGCCAACTTTCTTCTTCATCTTTCTCCTG

>trans_s_10236AY112527|Zea mays CL27878_1 mRNA sequence

AGGCAGTGAGGATGACTTGCCCTCTATTTGACACGGCTCGATGGGTGAGGAACTTGGAGAGATCATACTTCA
CCCGTGTTCAGGTACAGTGTGAGGGCAGCACTTACA

>trans_s_10237Novel Gene

AGAGACTTGACTGAGATGCTAGATTTTATTGCTATCACTCTACACAAGAAGAAGCTACATGAAATTGAAATTG
AAAGTAAATCAAGAAATCTGTGGTTTAAATCCATC

>trans_s_10238NM_180857|Arabidopsis thaliana ATCNGC4 (CYCLIC NUCLEOTIDE-GATED CATION
CHANNEL 4); calmodulin binding / cation channel/ cation transmembrane transporter/ cyc>
(ATCNGC4) mRNA, complete cds

GAAGAGCGAGAGGAAACGGAGACGCGTGTGGTCCATAGAAGATTGGGTCTTTGCATGATAACAATCTCAG
CCCACAGCTGTTGCTTGTGCTGATCTACATTGCTCT

>trans_s_10239Novel Gene

GGAATGAAGATAAGGTCACGTCCACAGTAGTCTTCGTAACGGTGGATCGGACAGATCTCTTGATGGAAGTTA
CGTCGGTGACAATTACGTTAGGTGTCCAGACTGGATG

>trans_s_10240XM_002963066|Selaginella moellendorffii ATP-binding cassette transporter,
subfamily C, member 3, cluster II, SmABCC3 (SmABCC3), mRNA

CAGGCAATACTGCATAGTCTTCTATACTGGCTCACTTTGTATTGATGGTGTTAAGTTCTTATCGATCTACTACAC
TTTGATTGACCTCTTGGGTTTTAAGGGGAAAAAA

>trans_s_10241NM_001048567|Oryza sativa Japonica Group Os01g0150200 (Os01g0150200)
mRNA, complete cds

CAAGACTATCAACATCAGGACTCCTAGTGGATTCTGGTTTGGCCTCTTGGTCACCCGTAGTCAATCTCGTGATA
ACAGTGTTGGAGATAGATGTTGCACCACACGTGTG

>trans_s_10242GQ979977|Ipomoea batatas cultivar Chaoshu 1 sucrose transporter 1x (SUT1x)
mRNA, complete cds

AAGATGCTGATTGAGAAGTGCAACCTGAGGATTTGACGGAGGTGTTAGCGAATTCGGTAGGATTTATGAT
GAGAGGGTGTTCATTCCTGTTGACCCAGAAGAAAAA

>trans_s_10243NM_001065558|Oryza sativa Japonica Group Os07g0176900 (Os07g0176900)
mRNA, complete cds

AAGGCTATGGTTGTGTTGCAAAGCTCAGAACCTCAAGTGAAAATGGAGAACCATTTGTTACTGACAATGGCAA
TTACATTGTGGAATTGTATTCAAGGAAGATATTGG

>trans_s_10244NM_001074883|Oryza sativa Japonica Group Os11g0641200 (Os11g0641200)
mRNA, partial cds

TAGTTTTAGGCTGCTTAGCTAGGTCAAGCCGAATGATTACCCTACAGGATTCTGCAATGTTTTATTCGCTTTAG
CCAATGATCCAAGCGAGACGGCGGGCTTCAGATCT

>trans_s_10245EU085043|Gossypium hirsutum CBL3 (CBL3) gene, complete cds

GGGGTCATGTCAGACCCAGGAAAAATAGTAAAATAGGATACACATCGCCTGGAAGATGGAGTTAGAAGAAG
AAGCACAAAAGTAACTGTAAAGAGACGGAAAAACAACG

>trans_s_10246NM_106473|Arabidopsis thaliana protein binding (AT1G78230) mRNA, complete cds

GAAGGTGAAGGTGGTGAAGGAATAGGAGTAGAAGGAGAAGGGGTTGATGCGTCGATCCAAAATGGGCATC
TTAGTGATCCTGGTATTGGTAAGGCAGTATGTTGGGCAT

>trans_s_10247NM_001059933|Oryza sativa Japonica Group Os04g0531600 (Os04g0531600)
mRNA, complete cds

CCCTGCGGATGCTAACGCTTGCATGCGGCGCCCCCGGAAGATGGAGTCCGTAGCTGTAACGTTACGTCACTC
ACAAGGCACAAACGCTCCGCGTCTACAGCGGCACCC

>trans_s_10248DQ659621|Gossypium hirsutum transport inhibitor response 1 (TIR1) mRNA,
complete cds

TGGGTATGTTTATCCATGGATCCTGGCTATGGCTTCTGCGTATCCTTTGTTGGAGGAGATCAGGTTGAAGAGA
ATGGTGGTTACGGATGTGGAACGGTGATGAGCCCCA

>trans_s_10249X97970|A.thaliana mRNA for RNA helicase

TGTCACATCCAATTTGTACTTGTCCATGATTGAAAGAAGTTGTTTCCTCACATCCTGGGCTCTCCTCAAGGATCG
AGACTGAACAAAGTTCTCAAAACACCAGGGGCCA

>trans_s_10250XM_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

TTCAAAGGAGGTTGAAGACATTGAAATTGAGAGTGATGGATATCTGTCTAGGAGTTTGAAGGCAAGAAGGC
GACAGATCTCAGCAGGTCTGCCATTTCTCAACAGGTG

>trans_s_10251NM_001073798|Oryza sativa Japonica Group Os12g0613700 (Os12g0613700)
mRNA, complete cds

AAGAAGATGCCTTTTGGGTTGGCCACGAAAGATATGCCTAAATTTCCATTATTATCATGCAGATCCCTTGCAA
TTAACTCTGAGCAGGAGGCTGCTGAGAGAAGTCC

>trans_s_10252AC223445|Oryza glaberrima, complete sequence

CAGAAAATGCCTTTAGCTTCCACGAATCACATGGACAGTTTGTTACTCAATCAACTTTAGGTGTGGGATGTGAA
TCTGTAAGTTCTACAGCAGCAGGAACAAGGGAGAA

>trans_s_10253Novel Gene

TTTCTCCTCCATTATTATCTCTGTACTCCTTTGTTTCTCCTTCTGAGACTAAGCAATGAGTAAAGAAGAGT
TCTTAAAGATCCAGAAATGTGTTCAATTTGTGG

>trans_s_10254NM_001057638|Oryza sativa Japonica Group Os03g0721300 (Os03g0721300)
mRNA, complete cds

CCCCACTCAACCTGGCGGCGTCATCCGCTTAGACAGACCCCGTAAATTAGTCAAGTTGAGGATCCTCTGGATCT
GGATGCCCCGTCCCCTCGACCGAGAGTTGGTACTCC

>trans_s_10255NM_001054415|Oryza sativa Japonica Group Os02g0708100 (Os02g0708100)
mRNA, complete cds

GGCCATGGAAGGTGTCGGATGCTCGCCTGGTGCTGAAGATGGTTCAGTTTGGAAGGCCAAGTCTTTTGGCG
CTTCTGGAACCCAAGTTGGTTACCTCAACACTTGCTT

>trans_s_10256Novel Gene

CGCTCTACTCATTATTCATCTGACCGTAGCAGGAGTAGATCCCGTTCCATCAACCGACATCGTAGATCATATGG
TTCCCTTACCATCGTATCGACGCACTCGTAGCCA

>trans_s_10257XM_002868643|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP binding protein, mRNA

TGGAAGCAAAGCACATGTTGAGAATCCTGCTGCCTTGCCATCAAATCCCAAGAAGCGAGTGATTGCTAGCTGG
GAACCTACTGTGTTGGCTACATTTATCATTCTCGGG

>trans_s_10258AB063192|Cucumis melo CmEIL2 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

CAAGATTCGCAAGCTTGTTGCCAGTCCAAGTGTTTGCAAGACAAAATGACTGCAAAGGAGAGTGCTACGTG
GTTGGCTATTGTAAACCAGGAAGAAGCTTTGGCTAGG

>trans_s_10259Novel Gene

AGGTATCTCGAGATGAGAGCGATCCGTGGAAGGCCTTCTACTGAAGACCAACAATTGCAATGATCTATCCCCA
TCACGATGAAATCTCGGGAGCGCAAATTTACTGTCTG

>trans_s_10260X75579|Solanum tuberosum nad7 gene, partial

ACCACGGACCGGTCTCCTCAAATCCCTCATTAGGGAGTCTGCCGCTTTCTTTCATAACGGAGCCGAGAATAAG
GGCTGGCATAGTTGTCTCTCGCATGCAAGGAGATAT

>trans_s_10261XM_002514486|Ricinus communis Diacylglycerol Cholinephosphotransferase,
mRNA

ACCATAAAAGGGAACAGCTGAAAGTACCCAGAACCAGAAAGAAGATCTTCCACACATGGCAGTGCTCCCCAA
TGCTAAGGTTTCAAACGCGCATGCAAGTGCATCACAT

>trans_s_10262NM_111204|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR)
family protein (AT3G03330) mRNA, complete cds

AGTGCTGCAGGAAAGACACCTGCTCCTGGACAGGCTGTATATTCTGCATCAAAGCATGCTCTGAATGGTTATT
TTCATTCTTTACGATCAGAGCTCTACCAGAAGGGTA

>trans_s_10263EU145721|Glycine soja S-adenosylmethionine synthetase (SAMS) mRNA, complete
cds

GCCTCACTGAAGTTAGAAAGAATGGCACCTGCCCCTGGTTGAGACCTGATGGCAAGACCCAAGTCACTGTTGA
ATACTACAACGACACGTTGCGGTGTTGCACCGTGGC

>trans_s_10264AY864733|Populus tomentosa auxin influx protein (AUX1) mRNA, complete cds

AAAGAAACCAACGACAATGTTGCCTCAGAAACAAGCAGAGGAGGCCATAGTTCCTAACGTGAATGAAACAGA
GCATGAAGAGGGGAGGAGGAGCGCTTCTGAGGAGCCC

>trans_s_10265Novel Gene

GAAGAATTTCTCAGACTGGAAAGGATAGGGCTGAATTCAGAGAAAGAGCCGCTATGAGCAAGACCGATTAC
CGATCTTCATGTCTTATCCGGGATTTAGACACATTCA

>trans_s_10266AJ550021|Raphanus sativus D81Rfo (restorer-of-fertility) genomic region

GGAAGCTCCGGAAGATTCTGGCCATGGAGTTTCAAAGTTTCAGCAGATATACCGCCAGGCAGCTCGTGCGAG
GAGGATTCAAGAGGAGGATTTCACTCCTACGACTGAG

>trans_s_10267EF194050|Populus tremula x Populus tremuloides xyloglucan
endotransglycosylase/hydrolase precursor XTH-36 mRNA, complete cds

TGAAAGCCAACCATATGATCTATGACTATTGCACCGACAAATCTCGTTACCCTCAAACCCCGCCCGAGTGTGGT
TTGGACAATCTTTGAAGCGTGGTGGAATATTTATA

>trans_s_10268NM_001074753|Oryza sativa Japonica Group Os11g0599500 (Os11g0599500)
mRNA, complete cds

AGGGCTTGACATTCCTCATGTTGCACATGTGGTGAACCTTCGATCTCCCTAATGACATCGATGATTATGTTTATA
GAATTGGACGAACGGGGAGAGCTGGGAAAACCTGGG

>trans_s_10269EF533981|Cunninghamia lanceolata ch-cobra mRNA, complete cds

TGTTCAACCACCCAATTCTTTGCTGTGCTCCAGATGACCTCTTTCTTTGCCCATGTCCACCCTAATGTCCAACCTG
GAGCTTGAATATGGCGGTATTGCTGGAAGTTGT

>trans_s_10270HQ615081|Loncomelos pyrenaicum voucher ABH50135 internal transcribed spacer
1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2,
partial sequence

CCTACCGATTGAATGGTCCGGTGAAGTGTTTCGGATCGCGGCGACCAACCCCGTGGGCGTGGGGGTAAAGCGA
TACGTCTGGCCGAGTCCCTGCTCGGTGCGCGATTAGT

>trans_s_10271NM_180643|Arabidopsis thaliana NHL repeat-containing protein (AT1G70280)
mRNA, complete cds

AAGACGAGCCACCATCCATCGAAACAAAACTCCCACAATAAAGAAAACCTATCCATTCATGACGCAAGATCT
CGATCGATCTCACCAAGTTCAAGCCGAACAGGAGCTA

>trans_s_10272NM_179499|Arabidopsis thaliana ARF1 (AUXIN RESPONSE FACTOR 1); DNA binding /
transcription factor (ARF1) mRNA, complete cds

CAGATTTTGCTTTATCTTATGTGTGTAGCTGGAAGCCTCAATGCATCAAGGATTGGAGCAACAAATGCCTTCAT
TCAACCTTCCATCAAATGTTTCCACCCCCCACCA

>trans_s_10273AB195174|Nicotiana tabacum NtPITSLRE alpha mRNA for homolog of mammalian
PITSLRE alpha protein kinase, partial cds

GTTGATCAACTTGACAAGATATTCCGAACTCTAGGCACGCCTAATGAAACGATTGGCCTGGATTTTCCAAGCT
TCCAGGAGTAAGGGTCAACTTTGTTAAGTGTGAT

>trans_s_10274NM_102834|Arabidopsis thaliana UFO (UNUSUAL FLORAL ORGANS); transcription
factor binding / ubiquitin-protein ligase (UFO) mRNA, complete cds

CCGTGCCGCGTAGTAGGAGTCTGATAATCTCTCTATCTCCAAGACAGTCGATCTTCTTCGAACCTATTTAGTA
TAGTAGGAGATGTAGTGCCTCCAGTGTGCGCTCCT

>trans_s_10275AF172681|Canavalia lineata amine oxidase mRNA, complete cds

CAACACAATTGGCATAAACCACGACCATTTTCATCACATATTATCTAGATCTCGACATCGACGGTCAGGAAAATT
CCTTTCACAACTTAACGGCCGTGTCAAAGACGGG

>trans_s_10276NM_001050236|Oryza sativa Japonica Group Os01g0645200 (Os01g0645200)
mRNA, complete cds

GAAGACAGCAAGAGCACTGCCACCAAGTGCCATACATCAGACGCTAACTGCGGATGGGACGGCGACGAGGG
GGTTCGTGAAATGCTTTTGAGCAAGTAAAAACCCAAGT

>trans_s_10277EF415908|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 024BT23M41-437.3 genomic
sequence

TCTGTGACCAGGTCCTTTCCCTTTCTGAATACAGAGCTCAACTGTACGATTATCTAAAAAGTAGAATGAATACC
ATTGCTCCTAATTTGACTGCACTTGAGCCCCTCGA

>trans_s_10278XM_001698264|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CAGACTGCTTTCTTAGCTAAATGCAAAATTCTATCTTCGATCACACACACATATTTTCATAAATAGCCCGATCAT
CCTGGTTTGAAGAGCATAGTCGGCGAAATAGGGG

>trans_s_10279GU198928|Ribes nigrum delta-6 desaturase (D6E) mRNA, complete cds

CAAGGATGCCCAGATGCCAGTTGAGGAAAATCTCTCCAATCGTGGTCTGAACTTTGCAAGAAACACAATCTTCC
ATACAGAAGCTTGTCAAAAACCCTACGATTACAGGC

>trans_s_10280NM_001048429|Oryza sativa Japonica Group Os01g0125900 (Os01g0125900)
mRNA, complete cds

CCGTTCCATTTCTGCTGGAGATGTTGTTGTTAATGGGCCATGGATTGGAAGAGTAGACAAGGTTATTGATTCT
GTCAGTGTTCTTTTGTGATGATTTTCCACCACACAGG

>trans_s_10281HM122442|Malus x domestica ARF domain class transcription factor (IAA12) mRNA,
complete cds

TTTGGCACTTCTCCATGGCCCTTGGAGCTAACCCAATAGCCTCCGAACTCTTCATGATCCTCATCCTTGTGCAAG
ATTCAGTGAACATCTCCCAAGGAACATCACCAAC

>trans_s_10282XM_001696417|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CGGTACTTCTGATACTGCGCCCAGGATGACCACCTAGGCCTTCCGCAGCGCATGGTCAGGGTGGACCTCCAT
AGGCAACGTTTTCCCAACAACTATACGGGGATCGG

>trans_s_10283AY656083|Calathea crotalifera voucher GH 94-784 US NADH dehydrogenase subunit
F (ndhF) gene, partial cds; chloroplast

ATCAAGGGGTCCCAAACTGATGAAGAACTTGCTTATGACCGTGGTATTGAAGAAATTGAGGATAGTTGTGGT
AGAATACCTATTGAAAAAGCGTATGACGTTGTACATA

>trans_s_10284XM_002320058|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAGCACCGATAATGATCCTGAGGAAAGCATCAATAACACCTTGGACGCAAGAGATCTTGTTGCAAGGAGGGC
TTCATATTGGTCAAGTAAAGAGTCTTTAACAAGGTA

>trans_s_10285Y15782|Capsicum annuum mRNA for plastid transketolase 2

AGATGGACGTTTCTGCAAGCCACTCGACCGTGCCCTCATCCGAAGTCTAGCTAAATCGCACGAGATTTTAATCA
CAGTGGAGAGGAAGCTAGCGTTCTTCGGGTTTTCT

>trans_s_10286CP001331|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13, complete sequence

ATTGAGCATTTATCTGTACGAAAGGCCGGAAGGTACCGTTCGCCGGTGCCAGAGGTCCCCATTCCGAACAGCC
CGGGGGGAGGCACGGTCCGACAGACCCCCGCCCCGCG

>trans_s_10287FJ969431|Glycine max HSP90-2 mRNA, complete cds

AAAAGATTAAGGAGGTTTCACACGAGTGGTCGTTGGTGAACAAGCAGAAGCCTATCTGGATGAGGAAGCCA
GAAGAGATTACAAAGGAAGAATATGGATAGGGAATGTT

>trans_s_10288NM_122026|Arabidopsis thaliana binding (AT5G20190) mRNA, complete cds

TTCCCGTCCCTCGCTTCTTCTTCATCAGCATCCCAAAGGAACCGTGCATAAGAAGCTAGAACATAATGGCTCCC
AGGGGCAGCCTTAACAGCTTGATTAATAAATACTCT

>trans_s_10289EF688573|Gossypium hirsutum phosphatidylserine decarboxylase 1 mRNA, partial
cds

AACAATATGATTCACTTGACTTTATGTTTTGACGAAGGAACTGGAAACCAAGTTATGACCGGAGGCTTCTTGA
CTGATAACAGGCTGCATATGGGTGGATGTTCGTAC

>trans_s_10290XM_001690156|Chlamydomonas reinhardtii speract/scavenger receptor,
transmembrane glycoprotein (CHLREDRAFT_146819) mRNA, complete cds

AGGCTTCATTCCCCTATGGCGCTGTCGCTGCAAGAGGCAGAGGTGATCTGCCCAGCATTGCGACCGCAGGTCC
TTTGATAATTAGATGTGGTACAAAGTGGCTAGTACA

>trans_s_10291XM_002870388|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DENN (AEX-3) domain-containing protein, mRNA

TTTGTGGTTCTTTGCGCCTCGAGCATATTTTATCAATTTTAGCTGGAGCACTGCTGGAGAAGCAGATTGTGGTT
GTTTGTTCACGAGTTTGC GAAGCGACTAGGATTG

>trans_s_10292GU902269|Ceratophyllum sp. SM-2010 thylakoid structural protein (psbB) mRNA, partial cds; chloroplast

CACCCACCAATTCCCGTGGGACCCCCCTTGATTACGCATTATGCACCCCTGGATATAAAGGAGTTATCTCTA
AAACAGGGTGTCTTAACCAACCAACAGCTATTCC

>trans_s_10293XM_001690903|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ATAGTTGACGGCGGCCGAATGAGGATCTTCTCAGAGCTGGAGTTCATGGGATTATTACCGTCATTGGCTCG
TTTGGTGGCCGAGGACGGGGGATTGGATTAGG

>trans_s_10294NM_113545|Arabidopsis thaliana glycosyl hydrolase family protein 27 / alpha-galactosidase family protein / melibiase family protein (AT3G26380) mRNA, complete cds

CGTCGCTCCTACCGATTGAATCAAGTCGAGGGCTTGTGGATGGATGCATAATGGTTTCATGAGTGTAACGTT
AAATCAGGAGCTGGAAAAGCCTTCTTAAGGTCCCTG

>trans_s_10295XM_002874491|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MAPKKK9, mRNA

GAGTCTCTCCCAAAGATGCACAGGATTTCACTTCTGCAGTGCCTACAAGTTAATCCGAAGGACCGTCCTACTGC
TGCTGATCTTTTAAATCACTCGTTTGTGAAAAGAC

>trans_s_10296AL161562|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 62

AAACCCACTGTAGCGGTTTGGGTGCCATAAAGGACAAATCCCAATGATGCCAATGCTTGCTTGAACAGAGCA
TAGGATATCATCTTCACAGATACCAACAGGACATT

>trans_s_10297Novel Gene

CCACCCCTCCCCCTTCTTCAATGCTTCTTCTTCTTCTTAAGACAACAAAACCCACCAAACCCCTCTCTTTTCA
TCTCCTTAAGAGTGCATCAGCCCAACACCTG

>trans_s_10298Novel Gene

GGTCCCGTAGCTCATTGCAGCATTATCATTATTTCTTTTTCTTTTGTGGATGAGAAACCATTTTCATTGATAAAT
AGCTTCCTCATTATCTCTATTGTTACGGCTGAA

>trans_s_10299AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ACAGTACTACACGTGGTTTTTGAACGTGGGACTCCGCATTGGCCAACCACGTGGCCAGCCGATCGGCATATAA
ATTGGATCGGATTTTGCAATTTTGTAGTCTGCAGTA

>trans_s_10300GQ162103|Morus alba ethylene signal transcription factor mRNA, complete cds

AAAGAGTGCAAACAAACATTTTCAACCACAGGCAAGACTTCTTTTAAACAACCAGAGGAAAACAACATTCAAA
TAGAGAATGCAAGAGAAATTTGAGATCCCCATCTGT

>trans_s_10301GQ422966|Solanum chacoense 14-3-3 protein mRNA, complete cds

TCTTCATTCTTACGACTCTCCTCTTTTGCTCGATGGAAGAAACAATCCGCCAAGCAGCCTAGAGTGAGCCAAT
CACGTTCTTGTAAGCGACAGAGAGAAGATTCGCT

>trans_s_10302CP000589|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 9, complete sequence

ACGAACAGTTCACTGTGCCATCCAAACGTTCTAGTCCCGGGGTTCTGCCTCTCAAGACAAACATCTCCAGTAAA
CCAGTTGCCATACCATCCTCAAGCCAGGGTACTCC

>trans_s_10303XM_002880167|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATBRM/CHR2, mRNA

TGAGGAGCAAGCTGTTGCTAGAGCACATCGTATTGGACAGACAAGAGAAGTCAAAGTCATCTACATGGAAGC
AGTGGTCGATAAGATCTCTAGTAATCAGAAAGAAGAT

>trans_s_10304DQ414725|Cucumis sativus cultivar guonong25 raffinose synthase mRNA, complete
cds

GATGTTCTGAGAATATTGTTGCTTCTCCTTCTCCGTACACTTCGATCGACAAGTCCCCAGTTTCAGTCGGTTGC
TTTGTTGGATTTCGATGCGTCAGACAAGTCGCTAA

>trans_s_10305EF590945|Lagenaria siceraria voucher USDA PI271353 NADH dehydrogenase
subunit J (ndhJ) gene, partial cds; chloroplast

TGTCGCGATTGTCAGGCGGACACGATGTAGTATTCGTGTAACCCTTGCATCTATTATGTAACCATATACATAT
AAAATGACTGCAATGGGGCATCATTCCTCGGGCTT

>trans_s_10306AY727957|Diospyros lotus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATAATGTGATGGAAAATACTCTACTGGGTATCTGGAATGTATATACGTATTCAGAAAGTCGGGCTTTCGACAGC
CGACGGGTTTCGGGACTGGGACCCCCGTGCCAGCCC

>trans_s_10307L77966|Lycopersicon esculentum metallothionein II-like protein (MTB) gene,
complete cds

TTGTTGTCTGTTTTGTTCAATGGGGGAAGCCATCGGTGTATGTGGGGATGATCTGATGTTGAGACTTTCACC
GGAGATGAGTAGAGAAACAACCCTTCCCTCTTTTC

>trans_s_10308XM_001690565|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CAATTCCTTCTTTATCTCTCCGCTCCACTCTCCAAATCCTTCATATCACTCTCTCTCCACACCCACATTTTGAAG
CTCAGATCTCAACTCCCTTCGGCCTCGTAAAA

>trans_s_10309XM_002880655|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

TTGAGATTTAAGAGCCTGTCAGCATCGGGCGCCTGCAGTAAGCCGTCATTTGAGGTGCTTGAGATAGGGTTG
CTACCACTGTATAATACTACTCCCAAAAACGCATG

>trans_s_10310AY518220|Oryza sativa (indica cultivar-group) NBS-LRR-like protein A (NL-A), NBS-
LRR-like protein B (NL-B), NBS-LRR-like protein C (NL-C), and NBS-LRR-like protein D (NL-D) genes,
complete cds

ACTTTCACTGATTTTTACGGATTAGAAATACGGAGGATTTCTCGGCAACTTCTGATGCTGCAACTATCCAACCT
ACACCTTCGTATCACTATACTTCGACTGGTTAT

>trans_s_10311NM_001066268|Oryza sativa Japonica Group Os07g0506000 (Os07g0506000)
mRNA, complete cds

AACTTAAACCACACAATCCATTGGCCAAGTTCATGTGCATCAAAGGAATTGTATTCTTCAGCTTTTGGCAGGGT
GTAGTCCTAGATATACTTGTTGCTGTGGGCATTAT

>trans_s_10312XM_002313198|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS68),
mRNA

GCAACGAAGAAGACAGTGAATATGAAGAGGATGAAGATGACGATTTTGATTTTCCGACTCAGAAAGCACTG
ATGATCTACTGATGATCCAAGACTCTCAGTCGTCAGC

>trans_s_10313AY059938|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T16K5.7) mRNA, complete cds

TGGAACAATACATTCTAAGACACGGTCATCACCTTTACTAACCATAGGGCTTGTTGTGGGTGCTATGCTTCTTG
TTGGATTTTGCTACCGTCAATACTTGTTCTGTTGGAG

>trans_s_10314XM_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

GCTGCAATGTTTATTAAACTCCTTTTCTCAAATCATACCATTGAGGAATACGCATCCAGTGAGACAGTTAGGGC
CATCACTGCTGCTATTGAAAAGGACACACAAAAAC

>trans_s_10315CP000589|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 9, complete sequence

TGGTTAAACTCAGCCTTGTTCTAACATTCTGTAAAAGAGTTCAATACCCTGCTCTTTCTAGTCCAAGCTCCGTGC
ACATGTGTTCCGCATGAACGAGCCAAAACCATTA

>trans_s_10316Novel Gene

CCAACCGGACTCGCTCTTATTCTGCTTCTGGTCCCGGTCGCCTTCACCGTCCCGTCAGAATTCATCTGGAACCTG
TGAGATACTGAATCAATGAATAAAGTCAAAGAAT

>trans_s_10317CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

CTAGCTTCAGGGAGCAACAACGGATTTCGTCATACCAGCCTCAAGCTCTGTCAAATTTCCAGCCGTGGGAAGCG
ACGGATTGCTTGTAAGTTACTGAAACACAGACTGA

>trans_s_10318Novel Gene

GTCCGTAGGATTGTCTGGCCATCTGAACTGTCTCAAAAACTTCCAAGGACTCTTTAAGACTTTTTGCCGATG
TTCGTAGCGTGCCTAGCAGCGTGCCTCCCTCCCTT

>trans_s_10319FJ997850|Capsicum annuum UPA15 mRNA, complete cds

CAACCGACCCTGTCATTAAGCAAATGGTTGAACAAGAATGCCTAAGATGGGCGAGGCCCTCCGACCACGCC
ATGCGACCCGACTCTCCCAACTCTTCTTCGCACCCTA

>trans_s_10320NM_001111847|Zea mays beta-6 tubulin (TUBB6),
mRNA gb|L10633.1|MZEBTUB6A Zea mays beta-6 tubulin (tub6) gene and mRNA, complete cds

GATGCGAATGCTTGGTGCCTTTTCAATTTTCCCTCTCCCTCTCTCCCTCGGGACATTGGTCCTCGTTGAATTC
ACCATCCAACATCTTGCTTTTTTTGTAGTCCCT

>trans_s_10321AY737314|Solanum tuberosum osmotin-like protein (OSM-8e) gene, complete cds

ACAAACCTTTAGATGGGAGGACAATCTAGCAAAAGCAAATCAGGTGGTGGCGATGTTTCTTCTCCTCCACTTC
CCATCAATGATGCTCACTATGTGATCATTTCGAGG

>trans_s_10322XM_002307017|Populus trichocarpa amino acid permease (PtrAAP2), mRNA

AACGACGTGGTTCCACAAGGCGGTTCCAAGTGCTTTGACGATGATGGCCGCCTCAAACGAACCGGGACTGTA
TGGACGGCGAGTGCTCACATACGCGTGATCACCGCTG

>trans_s_10323DQ343567|Populus trichocarpa glucose-6-phosphate dehydrogenase (G6PDH2)
gene, complete cds

GATGAGAACTATTAGATCCTCGTTGTCACAATGTCTACATTAGATTACATACTAGCCTCTACTCATCTCTAACC
ACAATAAAAGAAAAGATTGGAAATGGAAAGGGGT

>trans_s_10324BT015790|Arabidopsis thaliana At3g07080 mRNA, complete cds

GATCCAGACTTGTCTTATGGGATCCGTAACATACGCATTACCATCGCCCATATCTGCAGAGGTACGTGAAACA
GAAAAGTCTCCAGTGATCACAGATTGAAAAGCACCA

>trans_s_10325Novel Gene

TCTGGAGGTTGTTGCGAACATTTCCGTGTGTCCAAATAAAAAACCAATGAAGAAGAATCTGAACGCCTGAGAA
CTAGGGTACCTTGATCACAATGTATCAGTATTCTCC

>trans_s_10326XM_002317522|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS55),
mRNA

AAAGGTAGTAACTTTGGTAGAGCAAGAATCAAACACCAACACAACCCCTTTCTTCAACAGGTTTTTGGAAACTT
TAGCGGCATACTTCTACCTCTTCTCTGACATTGCG

>trans_s_10327DQ414725|Cucumis sativus cultivar guonong25 raffinose synthase mRNA, complete
cds

ATTGCAAGTATGGAACATTGTAACGACTTCATGTTCTCGGCACGGAAGCTATCTCTTGGTCGTGTTGGTGA
TGACTTTTGGTGTGTAACAAACGTTAACAGCTTTT

>trans_s_10328DQ407105|Simmondsia chinensis RNA polymerase beta chain (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

TACACCTTTCGGGGGCAGAAAAAATCGATCCACTTTCATTTGCATTTGGTATTTTGGCTTAAAGTCTTTGACTC
CTCGATACTCAATGACGCTTCTCTCAGAGAGAGC

>trans_s_10329X07654|Spinach mRNA for phosphoribulokinase (EC 2.7.1.19)

TTCTGTCTATACTTGTGCGCATCATCTAAACAAATGACAGTAGTAGTATCACTTATGAGTGTGTTTGAGTCTGGG
TTACCACCCTTTGGTGGCTCTGCTGCTCCTCCCC

>trans_s_10330NM_179290|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related (AT1G09160) mRNA, complete cds

AGTTGCTTCTTCGTTATTAATCGGAAGGTGGTCGATTAGAAAGCTTCACTTGCTTAACATGTGGTATTGGGACA
ATATATTCTCCTACATCCGTATACCAATGGACCT

>trans_s_10331AB426588|Spinacia oleracea CSase B gene for chloroplast cysteine synthase, complete cds

GGTGTGTTTTTTAGGATCTCTTCAGCTTTCTCAACTGCTCCCTTCATGCCTTTTGCTGGATTGTGAATACAACCTT
TGGCTCCAAAACGAAAATTTAGAACTCTCCTCT

>trans_s_10332FJ969431|Glycine max HSP90-2 mRNA, complete cds

AAAAGATTAAGGAGGTTTCACACGAGTGGTCGTTGGTGAACAAGCAGAAGCCTATCTGGATGAGGAAGCCA
GAAGAGATTACAAAGGAAGAATATGGATAGGGAATGTT

>trans_s_10333XM_002319153|Populus trichocarpa cationic amino acid transporter (PtrCAT2), mRNA

AGAGTATTGCAGCACAAGCTGTTGTGACAGGAGCAAATGTATGTGCAATGATGTTTGTCATTATAGCTGGCTC
TTATATCGGTTTCAAGACTGGATGGGCCAAGCGCAG

>trans_s_10334FJ908782|Zea mays subsp. mays Mu transposon insertion Mu1001157 flanking sequence

TGTCCGAGTCGCCATGCCTGACGAAGGGTCGCAATCTCAACTCCATATCTGATGACTACCAGCAAAGTGATTA
CGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCACT

>trans_s_10335XM_002319746|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AGAGCTGATTCTTCGAATGGCTGGGGCTTGGCTTTCAAGGCTTGCGGCGGGGAACCTCTTGATAGGTGGA
CAGAAAGGTCCAAATGGTGAAGTGGCCACGTGGGGCC

>trans_s_10336XM_002958788|Volvox carteri f. nagariensis eukaryotic translation initiation factor 3d (eif3D), mRNA

GGGTGCTGAGACACGTGTGGAGCACCAAGCCCAATGGGCCCCGAACAACTATGGCCAAAATTGACAGTTATTC
ACTCGGCCTATATCGCTACTCTACCCCTTTACTCTC

>trans_s_10337EF585485|Picrorhiza kurrooa isolate Pk-G(1) 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAGTGAACAGAGCACCTTCAATCCTTCGAAGTTGGGTAAAATCTAATACTTGCACTGGCAGACTTGTTCTTGCT
ATGGGCGGGTGCAACCTCAACGTGACATGTGTAC

>trans_s_10338XM_002314132|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS20), mRNA

CCTTTGCAAGTAATGAAACCTCTGCTGCTGAGATCTTGAAAGCTTATCAGATGTTTCATCAAGGCGTGCCCGTTT
CGGCGGATGTCACGTTGAGCGTTAAATTCCCAAAA

>trans_s_10339AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

AGGAGGTGGGCGATACTATCTTGGGATGTTTCTGGGCGGGGCTTATGAGGAGGCTCTCGGTGGTGTTCACAA
CCTGTTTGGTGGCCCCCTCACACCAAGCCCACTACGTC

>trans_s_10340AB112080|Nicotiana tabacum mRNA for 24K germin like protein, complete cds

ACAACATTCTTGATGCTGTTACTATCAAGAAGTTGAAGGGTGTTTTGGGTGGAAGTGGCTAAGAGATTTTAA
GAATGAGATCATTGGTTTTTTTTAGAGTTTGGTTTT

>trans_s_10341EU849598|Nicotiana benthamiana subtilisin-like protein mRNA, partial cds

TATGAGATCACATTCACCAAAATCAATGGATTCAAGGAATCAGCAAGCTTTGGATCAATTCAATGGAGTGATG
GAATCCACAATGTTAGGAGTCCAATCGCTGTGCCT

>trans_s_10342EF173091|Villarsia reniformis voucher CONN Pagels s.n. trnK gene, partial sequence;
and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

AATGATTTGGCCCAAGACACCCACTTTGGTTATGAGACCATGTAAATGAGAATTTTACTTAATAAATCCTCAAG
AGATACCAAAACCCGGACAACCGGGAGCGGCGTTT

>trans_s_10343Z11677|R.sativa gene for 25S (partial) and 18S (partial) ribosomal RNA

CAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAGTCAAGAGACCTTTCCTTTTCTTCTCGAAAAATCAGACA
GGGATAACTGATATTTTCATGTTTTCATCACCCACA

>trans_s_10344AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AGGAGTGTAGAGTTCAAGGTTATTGAGACAGATCCAGCTGAATACTGTGTGGTAGCCCCAGACACTGAGATC
TTTTGTGATGGAGAGCCTGTGAGGGAAAGAAGCAGAA

>trans_s_10345M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
3-5

TTTAGAAGAAAAAGACGTCGTAACGAAGATACTAGAGGAGGAGCACTGGCCGCCATGGCCCAAACGAAAGT
CAAAAGACTTCTAGCTCGCGACCTGATTGGACATGTAG

>trans_s_10346XM_001703133|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CTAGTCCTGTCCGAGAAGTGAAGGAAACTGTTTCATCATTCTTTTGCTTTAGGACTCCAGGATATGCAAATAAGT
GGCTCAACATTTGCAAGCATCCTTCACGTCCTGCT

>trans_s_10347AB024716|Oryza sativa mRNA for ferredoxin-dependent glutamate synthase
precursor, complete cds

GTCTCACTTCGTATTGCGAGCCAGTTGCGCGTGCGCACCACAATAGCTTGATAGTAAAGAAATACCCATTTTG
GAAAGAATTTTGAGAAGACCAGACTTCACTGCCTTG

>trans_s_10348XM_002952717|Volvox carteri f. nagariensis flagellar outer dynein arm light chain 5, thioredoxin-like protein (dlc5), mRNA

TCTTCCTCTCTCCTCATTACCCACACGCACCCTCTCAAATAACCGCTGGCCTGCCGGCTGTCCAAGCGTCTCTCT
TTTTATACTTAGTTTCTTTCTCTGCTATCTCCCA

>trans_s_10349AF338755|Lycopodium annotinum 23S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 2, 4.5S ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 3, and 5S
ribosomal RNA gene, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

CGAGGAGGTTTTATGTATCCCAATGAGGAAATCCTTGAAATTGCAAGTGCCGTATGACGCTTTGTGAATGATT
TGACATGGATCTCTGAGGGATAATATTGATAAGGTG

>trans_s_10350X64329|G.max chloroplast mRNA for ndhK polypeptide and orf 158/159

TTGTCTTCTTGGCTAGTCAAACATGGACTGGCCCAATAGATCTTTGGGTTTCGATTACCAAGGAATAGAGACTT
TACAAATAAAGCCCCGATTCCGTTACGGTTGCCATG

>trans_s_10351XM_001700889|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGTGGAAGTGCAAGTGAAGCAAACGCACTCTGTCCCAGAACTAGCGCCGGCTGGTCTGGCACCCCCACAAT
GGCCCTCTACCCATCAAATGGGCGTATGGTTTTTGT

>trans_s_10352FJ872091|Rheum delavayi photosystem I P700 chlorophyll a apoprotein A1 (psaA)
gene, partial cds; chloroplast

TTTTATCCTATTTCAACGCGTTTTCTAGGGCTAAGTTCTATTTAAGTACTCCTTCACCTTAGAGAATAGGATCT
ACTCCAGCATTTAGAAATTGGTTAATCGGTAAAG

>trans_s_10353EU586191|Malus x domestica cultivar Fuji F-box-containing protein 1 mRNA,
complete cds

GATACCTTCTCAATGGGGGGAGCTTGTTCTAGGAAGAGAGACCAGCTAGATAACGAAGACAGTTTGCCTAGA
GGAGTATCTGGAAAATACTGTAAAAGTGGGAGTTCCT

>trans_s_10354AY106804|Zea mays PCO072181 mRNA sequence

CAACTGTTTTGCTGACTCAATCTGTTCACTGAACCATCAATCTGTAAGGTTCTTTCTGTAGAAGTGTCCCCAGG
GGGTAAGTGCAATGGTATCACCTGGATACGTGCT

>trans_s_10355Novel Gene

CATTGTAACCTCTTTTTTCTCTCTGCAGCTTACGGCGACACTTCCATGGATATCGAGGAGGAAATTCGTGCATT
AGAACTTGATCCACCAGATGTAAACCCCCCTC

>trans_s_10356AY773090|Cucumis melo glutamine synthetase mRNA, complete cds

ATGCCGGAATCAACATTAGTGGCACCAATGGAGAAGTTATGCCTGGCCAGTGGGAGTATCAAGTTGGTCCTA
GTGTTGGGATCGAATAGTTGTCGACGCGGGTTGTTCT

>trans_s_10357AB511862|Hordeum bulbosum HSLF2-S3 gene for F-box protein, complete cds

CGCAGAGAGACAAAATGAAAGGATCGAACTGTAAGTACTCTCCCACTGCTCCAAAACCAAAACGCTCATCTT
TGTTCATTTTCTGTGCTTTGTGGGAAGTTGATGTTG

>trans_s_10358NM_001187618|Oryza sativa Japonica Group Os05g0588100 (Os05g0588100)
mRNA, partial cds

CGGTTAACCTGCACTGCACGGGGGACTCTGGGGGCCCCTAGAAATTGGGTAGGTATCCCAAAGAAAAGAA
GTATTACTAATTTTCATGCGGATTCTGACTTAGAGGCGT

>trans_s_10359EU717679|Litchi chinensis ARF-like mRNA, complete sequence

CTTCCTATGACTAGACCTAAAAGGCCTCGATCGAACATGGTATCTACATCCCCTGATTCTCTGTTCTTACACGA
GAAGGCTCATCAAGAGTGACTGTACTGGGAAGT

>trans_s_10360XM_002319047|Populus trichocarpa histone H1 (HON902), mRNA

TGATTTTGAGTCCTACAATTAGACGTGAGAGATGAGGCCCACTTATCCAGCAACGGACCCAATTCGCCCT
ATTCTCCCCTGTCCTGAGACTAATAGAAAAAAGTA

>trans_s_10361NM_100436|Arabidopsis thaliana CALS1 (CALLOSE SYNTHASE 1); 1,3-beta-glucan
synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CALS1) mRNA, complete cds

AAATTAATGGGCATAAACAGCAGAGCATTTCGAGTTCTCAGCCTGGAGTGGTTTCGGCAATTGCAAAATCTCT
ACGTCCTACTAGCAGAAAAGAAGAGAGATCGAAGG

>trans_s_10362Novel Gene

AGCATTTATCTGTACGAAGAATTAAGGAACGTTACCTATTAACATTGAGAACTTTGCCTTAGGTGATTTAAAA
AAGAATGTAACCTTAGTGAGTGGGCGGGGCGCGCG

>trans_s_10363AY104880|Zea mays PCO074406 mRNA sequence

TGCTTCTGCGATCATCAAACCAATAAACGCATATCCTGGAGGCCTTCTAGCAACCCAAACACTCCTAAGAACA
CCGAACATTCGAAATTCATCTTCGAGATCCCTCT

>trans_s_10364XM_003078859|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot04g03890) mRNA,
complete cds

TGAAGCTGCCAGCATGATCTGGTAGAAGAGAATGAGATTGTCCACGTTGCCATAATGCATAGATGAATATTGA
TTGACAAAGCGCGACCCAGCAGTCCGCCCCGTCGT

>trans_s_10365BT025262|Arabidopsis thaliana At4g02715 mRNA, complete cds

TATCAAACCCAAATTGTCAAACAGAGTAATGTTTTTCATGAAGAATTCTATGATAGGAGTTTCTCGTTTTCTGA
GCTTTGGGCTGGACCCACTTACTCAAATTGTGG

>trans_s_10366XM_002872752|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kelch repeat-containing
serine/threonine phosphoesterase family protein, mRNA

CAGATGCATATGGGTTGTTGATGCATAGAAATGGTCAGTGGGAGTGGACCCTTGACCTGGGGTGTCTCCTTC
ACCTAGATATCAACATGCTGCAGTTTTTGTGGTG

>trans_s_10367AF267171|Arabidopsis thaliana fibrillarin 2 (FIB2) gene, complete cds

TGTGTAACGACATTCCTTTTGCATCAGATACTCGGGTTGTGCATCACTCTAAATGTCTTGAAGGGGAATCCGA
GTAATTCATCACATGCTGCGTTAGCATCCGCAGG

>trans_s_10368FJ834456|Pelargonium x hortorum argonaute 4-like protein mRNA, complete cds

CAGCCCGGTCCTGTTGTGGACTTTTTAATTGCAAACCAGAATGTCAGAGATCCTTTCTCACTTGAAGACCAA
GGCTAAAAGGACACTCAAGAATTTGAGGATATTT

>trans_s_10369NM_001051956|Oryza sativa Japonica Group Os01g0952600 (Os01g0952600)
mRNA, complete cds

GCCTATGCAAATGAGAGCTAGCTATTACTCCACAGCAGACCTTGAACGTGCAGGACACAATGACGACCTTGTT
GAGGGAGATGACATTGAGTGGCATCTTGATCACAG

>trans_s_10370XM_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

AATCTGGACTAGATTGGTAATGTTAGATCATATGATACCACTGGTAGATGATAGTTGGAGAGTAAAGTTCGAA
AGAGTTAGAGAAGATGGCTTTTCCAGGCTGCAAGG

>trans_s_10371GU452716|Triticum aestivum 70 kDa heat shock protein mRNA, complete cds

AACACTACACTTCCTACCTCGAAGTCCGAGGTTTTCTCCACCGCTGCTGATGGTCAGACCAGTGTTGAGATTAA
TGTTCTTCAAGGAGAACGAGAGTTTGTGAGGGAC

>trans_s_10372D26106|Cucumis sativus mRNA for ferrochelatase

ATATAGCATCATTTGCGCCTTAGGTCATGATTTTCTTTAGTGACATGGGGTTCCCGTCAGTTATGTTGAGAAT
GCTGGAGATCCCTACAAAGATGAAATGAGCGAGA

>trans_s_10373FJ489609|Jatropha curcas 60S ribosomal protein L18a mRNA, complete cds

TGAAGTTCGCGCTAAATCCAAGTTTTGGTATTTTCTGCGGAAGCTGAAGAAAGTGAAGAAGAGCAATGGTCA
GGTGCTCGCTATCAACGACTAGAAACAGAAGAATCC

>trans_s_10374FJ595244|Dimocarpus longan triosphosphate isomerase-like protein type I mRNA,
complete cds

TCGAGAGCTCCAAGTCATTGCTTGTGTTGGAGAACTCTTGAGCAGCGTGAATCAGGATCAACAATTGAAGTT
GTTGCTGCACAATGATTTTCGTTAACTGAGCGGGGC

>trans_s_10375EU112530|Helianthus annuus genotype v94 chloroplast chlorophyll a/b binding
protein (cab) gene, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

CATAGTATATATCATCCTTGTGAAGTGACGAAGATATAGAACATTCAGTATCTGATCGAATGATTGATGAGA
AATTTGATCGAGGGGAAGATCTTCGCCGATGGTGT

>trans_s_10376Novel Gene

GGATGAGCTGAAAGTCAGTAAGTAACTTACTATTTAGTGATGTTCACTCCCTCTATGTGCTAAATTTATTGCCTT
CTAGGTTATAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCC

>trans_s_10377XM_001703131|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AAAGTCTCATCGTCTACGCTTGGCCGGGCGGCTGCCACCGTAATCAAAGCCAGTTCGGTTGCCAGTTCAACG
GAGAAGGCGGTTGCGGTTAAAGCTTTCGTGACAGT

>trans_s_10378Novel Gene

CATCCTTAAAAGAAAGTTCAGGTGCTTCAAGTTGGGAGTCAGCACATAGTTGCCTCCAAGATGGTACTCGTTC
AGAAACTGTTTTGCGGAAATGTCAACACTGTGGTG

>trans_s_10379XM_002503469|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7 ATP-binding cassette
superfamily (MICPUN_59906) mRNA, complete cds

CCCATTGATAAGTATGAAGTTTCTTCAATCGCTGTTCTTAATGGTGAAAACCTTGAGGAGTCGAGACTAGAGC
AGATTGAGCCTTTGAAACCATATAATATCCATCCC

>trans_s_10380AY110611|Zea mays CL773_-1 mRNA sequence

GTAGATACACATCTGTAAAGGAGCAAAGGTGGTTATTGATTCAAATTCAGGTCGTTCAAAGGTTACGGCTT
TGTCAGGTTTGGTGATGAAAAGTCCCAGACGGAAC

>trans_s_10381NM_001063028|Oryza sativa Japonica Group Os05g0592100 (Os05g0592100)
mRNA, complete cds

CGGTTATAGATATGTGGATTAAGGCTAAAGAACTCGATGCCAACACCGAGTACTATCTCGAGCTACTAGCTAA
AGGAATTGGTAAGCCCAAGGAAGAGATTACTAAAG

>trans_s_10382XM_002880269|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L7A, mRNA

GAAGACAAGATGGAGTTCAGCAGGATTCTTGAAGCCATCAAGGCCAATTTCAACGACAAGTACGAAGAGTAT
AGAAAGAAATGGGGAGGAGGAAGACGTTTAGAACCT

>trans_s_10383AY352439|Juglans nigra microsatellite WGA86 sequence

AATGATAAAGGAAAGATCAATAACATATACAATATCACAAGAGCAAAATTCCAAAACCTTTAAAGAAGAGGAA
TAGAAGAACCTGAGAAAAGGAAGTCTTTTTCTACCT

>trans_s_10384XM_002947176|Volvox carteri f. nagariensis flagellar outer dynein arm heavy chain
beta, mRNA

CTGAGGGGATCGCAAACGGTCTTCAGGCCTCGCCGGTCTTGCCTGTAGGTCGTGATATGCCTCGAGATGGCC
GTCTCCTGTCCCCCTGCCGGTGGGGAATCCGCTCCC

>trans_s_10385NM_125676|Arabidopsis thaliana PEX14; protein binding / protein transporter
(PEX14) mRNA, complete cds

AGAAAAGCCATCTAATATTAGAGACATAGATGATTCACCTCCCAACCCGAATCAGCCACCATCAAATCCTCGCC
TAGCTCCTAGAGCCAAGCCTTGGGAGGTTGGTAC

>trans_s_10386Novel Gene

CCGATCCCGAAGGCCAACAAATCATCAGAGACTTAAATACCAAGAATCATGGATATGGAATTGATTTTCCATTC
ATATTGTTGCAGTTATTTTTTCTCGTCACTTGATT

>trans_s_10387GQ997381|*Lonicera japonica* voucher FLAS:M.J. Moore 312 acetyl-CoA carboxylase
carboxyltransferase beta subunit protein-like (accD) gene, complete sequence; chloroplast

GTGTTTCACCAATATTCTCACCTCCAGGTTGATTGTGATCGGGAGTTTTTGATGAACTATCGCCCTTCCTGTAT
TAGAATCTGCAAATTGAACATGCTCCTTGTTA

>trans_s_10388XM_003082379|*Ostreococcus tauri* unnamed protein product (Ot12g02810) mRNA,
complete cds

CTAGCTCTCACTGCCATCGCTGGTGGTGGGCGTGAGACCCTGTGTGTTCTGGAAGTAGTGCCTCCACAAGGGA
CGAATCTTGTCTTGACCCCCAACATCCCCAACTGT

>trans_s_10389EF197846|*Arabidopsis halleri* miR319a microRNA locus, genomic sequence

AATAATTGATCTTCCAATAATACCATGAAGTTCCCCCATCTAAATCCCAAATACTTAAGTTCCAAAGTTCTTCA
ACTCACCTCAGATATCACAACCAGTATAACACT

>trans_s_10390AJ304836|*Chlamydomonas reinhardtii* mRNA for proton-translocating inorganic
pyrophosphatase (vppa gene)

GATGCTCAAACCTTTGAGGTAATTGCGACCACCCAAGAAAAAAAAAAGAAGCAAATGGAAACAGCAACTAACTA
TGGCTCTTGGCCCAGACAAGGCCCTAGGCTACGGGG

>trans_s_10391AF085279|*Arabidopsis thaliana* ABA-regulated gene cluster, complete sequence

GACCATGCCACAAGAAAACGAGTTTAAGAAAGAATACCGTAACATCTAGCATGACATATTAATGGTATCATCA
TCAGCTTTACCTTTTCCTTCCTCAAACATCACC

>trans_s_10392AF197577|*Grevillea robusta* 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TACATCAGTGTAGCGCGCGTGC GGCCAGAACATCTAAGGGCATCACAGACCTGTTATTGCCTCAAACCTTCCTT
GGCCTAAGCGCAGTTTGAAAGGTTGACCTATTCTG

>trans_s_10393EF543155|*Cucumis melo* var. *inodorus* phospholipase D alpha (PLDa2) mRNA,
complete cds

CATATTCTGCTTCATGGCACCTTCATGTCACCATCTATGAAGTTGATAAGCTTCACTCCGGTGGTCGCACGGG
AGGTCCCACTGGTTGATCCCCATGTCTCCTTTAT

>trans_s_10394X83988|*C.mas* chloroplast rbcL gene, promoter region

TTTTTTCATAGGAATTCGGCATATTTTACATCTAGGATTTACATATACAACATATATCACTGTCAAGAGTGAAT
TTTTTTATTTC AATGCCCGTCTTACCCCTGCC

>trans_s_10395NM_001160989|*Arabidopsis thaliana* armadillo/beta-catenin repeat protein-related
/ U-box domain-containing protein (AT1G68940) mRNA, complete cds

CAGTCAGCCTCTATATGATTCCGCTGTATATACATTCGTTCTCAAGCTTTGCCAGTCGTATATAAGCTTACCATG
ACAAATTTTACAAATGGTAGCAATCACCCCAA

>trans_s_10396AY189100|Pimpinella saxifraga 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

AAGATATTGCAGTGAAGTACAGAGAAACCTGGCAGGATCTTAAGAATTTATTGTAGGAAGCAGCAAGCAAGC
GTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGGAAACATT

>trans_s_10397CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

GGACGGGGGCTCCCCCTGGCCACTCTGGCGGTGCGGTCGAGCTGAGGACTCTCCGATCCCGCTCGGAGCCAT
TCTCACTTACCCACGAATCTTTCGAGTATTACCTT

>trans_s_10398EF538242|Iranecio taraxacifolius isolate KAD345 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2,
complete sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGGTAGACAGAGTGCCAGCACGTAGTGTGTAGTGACTGACTCCTTTCTAAGGCGAAGGGATCCTTCCTACAG
GGATCTGTGTATAGAGCGCGATATAGGTCTCCCCC

>trans_s_10399NM_001056471|Oryza sativa Japonica Group Os03g0314800 (Os03g0314800)
mRNA, complete cds

TCCTTCACACCTTGCAATTACAGAGTTGGGAGAAAAGTGTGACTGTTACAGCCCTGGACAAGGGTTGATGCC
AGTGGACCCTGGGACTCGTTCAACCAGCTTCATTG

>trans_s_10400Novel Gene

ACAATATCTCGTCCATTTTTACATCCATACATAAGATGTATTTAATATTCACCTTGAAAGGTTTAAACATAGGG
TACTTCCTTGATCAAAACAACCCGGTTCCCGGC

>trans_s_10401XM_002866290|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase, mRNA

AAGTGTGAACCATAGGGTTCTAGCAAACAAGAAAGGGCCAAGAATCTCAGTGGCAAGTTTCTTTAGGTGCAA
TCTTCCACCAGACCCGTGGGGCAAAATTTCAAAA

>trans_s_10402AY551823|Gossypium hirsutum ultraviolet-B-repressible protein (UVB) mRNA,
complete cds

CAAATTTCTCAGAGAAGAGCCCAAGAGAAAACCAAATGGCTTCAACTTCTGCTATTTCAATGGCGATGCCAAT
TACTAATGCGGCACAGACTCTCTATCTTCTTTAAT

>trans_s_10403NM_001189339|Oryza sativa Japonica Group Os10g0556801 (Os10g0556801)
mRNA, complete cds

TTATATTTCACTCGCTAATCTTGAAGCCAAAGCAAAAGAATTTACAGAAATTTGAAGGAGCAGTTTTATCCCT
GGTTTGCTCAGTATATGGTCATGAAGAGGGCTAG

>trans_s_10404GQ429088|Senna reticulata voucher LDV3116 RNA polymerase beta subunit (rpoC1)
gene, partial cds; chloroplast

TGGGGGTAACTAATGAGCTCGGATATTAATGAACTCGAGAGAAGAGTTATATATCGGAACAATACTCTTAT
TGATCTATTAACAACCAGTAGATCTACGCCAGGAG

>trans_s_10405AY022269|Oryza sativa microsatellite MRG4594 containing (AAC)X8, closest to
marker S12288, genomic sequence

TGGATGACTTTTCTGGTGATTGGGGAATATCGATAATGGTTGTTGCTGTTGCATTTACAGTCTTTATTTTAGTCC
TCCTGTTGCTATGAAGCCCTTCTCTAGGACCTT

>trans_s_10406DQ022587|Zea mays cultivar LH82 Opaque-2 (O2) gene, partial cds

AGAGTTAACTGTGCCTGGCGAGGAGGTAGTGGCCAATGAAGGGTTAGTTGATGTTGATGATTATATGCATTTT
GAAGTGGATGATATTGCTCAGCGCCCCAGCAAGAA

>trans_s_10407Novel Gene

CTCTCAAGCACAATGCAGGTTTGATCACTTTAAGCTCGACCATTGCAAGCATCACTGCATAGAAAGCTTCTCT
GGACTTCGGTGCTGGTAAGTTTTCAAGACTCGGA

>trans_s_10408XM_002505820|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13 succinate dehydrogenase
(SDH2) mRNA, complete cds

GACGAAGGACTGATTTATGGAAGTGAAGCTCGTCTACCCGCTTGAGGTCCGTCTTTCTTTGTCTGACCTCTTT
CCTCATAGAAGGAGAGGTTCTTTTGAAGAGAAAA

>trans_s_10409U67743|Cynomorium coccineum chloroplast 16S ribosomal RNA gene, partial
sequence

AGCATCTGGGAGCAAATGAGCAATGGAATTGTGGAGCACGGCTCACATCGAGGATTGCTCTCTTGGTTTGCTT
CATTGTTTATTGCCTCATTCCGCCCAATGACATTT

>trans_s_10410NM_118613|Arabidopsis thaliana MA3 domain-containing protein (AT4G24800)
mRNA, complete cds

CGAGGAACCATATCAACTCGTTGGGTCCACTGTATCAGACCCCCTGGATGATTATAAGAAATCTGTTGTATCG
ATATATCTCCTTATGAAATCATGACCGAGTACTTG

>trans_s_10411NM_180383|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing
protein (AT3G57340) mRNA, complete cds

AAAGGCGTTTCAGTGTTTAAGTAACGAGGAGAGCAGAAAAAGGTATGATGTTGTTGGGTCTGAGGAACAAGT
CTATGAGAGACGGACTGCTGAGTGTGACATGTGCAA

>trans_s_10412CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

GCCGAGCCTGGTTGCGAGGGCTTATGACCCGAGTGGGGGCATCAAATTGATGGAACGGGAGGTTTCGTCCTG
AGTTTAGTTTCGGAATACAAGCCAAGAGTTATTTTT

>trans_s_10413XM_002866990|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FAT domain-containing protein,
mRNA

TTATGAAGCAAAGGTTGATACAAAGGTTCAAGCAACTCAGACACCTCACTACCGGTCTACTGGCCAAAAGAG
CTAAGCATGACTGTACATTCTTTCTCACAATAGTT

>trans_s_10414XM_002320147|Populus trichocarpa GH3 family protein (GH3-13), mRNA

AGTTCATCTACAGCAGCAAGCAGTTCAAACTAATGGTGGTCTGGCTGCAGGAAGTCAACAACAAACGTTTA
CCGCAGTGCACACGGGCCCCCTACATCGTATCTACC

>trans_s_10415AB052131|Asparagus officinalis Asp-3 mRNA for cytochrome P450, complete cds

AATGCTCATTTCACTAATCAAAGATGTGAAAATGGTTGAGGTCTTTTCTTGCTGCATTATTCTATTCGCCTGACT
AAATGTCCATTTTATGATTCTCACTTTTTGTTC

>trans_s_10416AF262939|Pisum sativum chloroplast protein import component Toc159 mRNA,
complete cds

AGAAGCGTCCTCAGCAAAGTGTGCTCAAGCTGTTGGTGATCTGCGCATCCTAAATCCAACCTTAATGAACCCG
GTTTCTCTTGTTGAAAATCATCCCTCTGTAGAA

>trans_s_10417AM919440|Cosmarium biretum chloroplast partial 23S rRNA gene, strain M 2123

TATTTACCGAGCCTCTCTCCGAGACAGTGCCAGATCGTTACGCCTTTCGTGTAGGAAGAGGGACGGCTTTC
TGATGTTCAAGATGTGAGACTGAAACCTTTTCGAT

>trans_s_10418XM_002508008|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8 glycoside hydrolase family
31 protein (MICPUN_84555) mRNA, complete cds

TCAGCTGATTGGGATTTTCTCAGGGTCTCCGTTCCAATGGTTTTGACTCTTGGACTIONTGGAGTGTCAATTCTCT
GGTGCTGATGTTGGTGGTTTGGGATCTTTTGAA

>trans_s_10419EF079448|Tridactyle sp. Szlachetko s.n. 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGATAGCTATTTTGAATAGGATAAAAATGTCACGCTACCCAATTGACAAGTGCCTGACTAACAACGACTCTCG
GCAACGGATATCTCGGCTCTCGCTAGCAGGAGGTA

>trans_s_10420NM_001063126|Oryza sativa Japonica Group Os06g0112100 (Os06g0112100)
mRNA, complete cds

GAGGAAGGATTACATCTCAGAGTCCGGTACTCGAAGTGTGAGTTATGAGACAACAATGATGACGACAACAAC
AACGATAATCCTGTGTCCATTGTATTTATCGCGTG

>trans_s_10421AL161583|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 79

TCGCCTTAAAGGAAGATATGGCATACTCTCTCTCTCTCTGATCTTTTATCACATGAATTGCCACTGCTTCAACAC
CTTTCAAGAGTAGATACTCGGACGGCCGCTCCG

>trans_s_10422NM_113669|Arabidopsis thaliana GC6 (golgin candidate 6); binding / protein
transporter (GC6) mRNA, complete cds

TGAACGTGTATTGGATCGCATTAGCAATGGTCAGCTTGCGGAGGACAGGAGAACTGCTATGGTGGAACCTCA
GTCTGTGTGCTACTCCCTGATGTAGTGGGTGCTTGC

>trans_s_10423AM884183|Phaseolus vulgaris AS3 gene for class II asparagine synthetase, promoter
region and exons 1-14

GGCGTGATATTGGGAGAATTGAGAAATGGATCTTGCGCAATGCATTTGATGATGAGAAGGAACCAGCGGGT
AAACCTACACGCGGTGCACTTACCCCCTCCACCGGGT

>trans_s_10424CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

CCCTGTATTCAATCAAGACGAAGCGTCTCGAAGAGAATCAAGAGCCCGAGAGCTTCAACCCAAAGGACACGG
AAAGATTAGAACTAACGAATTGGAAATGAATCATG

>trans_s_10425AB194607|Pisum sativum PsIPT2 gene for adenylate isopentenyltransferase,
complete cds

AGGGCAGGGATTGTGTGTATCGGCGTAGTGCTAATTCAGTGCACTCTGTTCCGAAAGAGTTCCTGCCACAT
AAATCTTGTAGGGTAGGGTCTGGTAGTGTCTTGT

>trans_s_10426Novel Gene

GAAAAGTTTTTCTGATTTGCATTGGAGGTTTCATGAGAAGATGAAGTCAGTGATCCACTACGCCTTCAACAAG
CACTTGATCCTATCCTACGCGTAGCGGTGGCTTCC

>trans_s_10427XM_002321112|Populus trichocarpa nitrate transporter, H⁺/oligopeptide symporter
POT family (PtrNtr1-2), mRNA

ATCGCAATCCTGCTCGTCACTTCCTTGAATGAGAACTATTCATACCAATAGCTCGGAAGCTAACTCACAACGT
ACAAGGTCTCACAAGCCTTCAGAGACGGTTTCGA

>trans_s_10428AL161548|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 48

GAAGATCAGGACTCACCACCTGAAGAGGATAATCCTTCTGTAGTAATTCCCATCACCTCCAGCTTCACACCCC
AGATTGCTTTCATTTGAGCTTTGGAAGGGGGTCT

>trans_s_10429NM_001124903|Arabidopsis thaliana cytosol aminopeptidase (AT2G24200) mRNA,
complete cds

TGCAAATGTACTACCCCCAGGGGCACTGGCAGTGGAGGCTTCAAAGATTGCATCAACTTACAGCGATGTTCTT
TCTGCAACCATTTTAAATGAAGAGCAATGCAAAC

>trans_s_10430EU016707|Acorus americanus 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial sequence;
chloroplast

GAGAGAAGGCCCCCTTCCGGGGGGGGCCCGAGCCATCAGTGAGATACCACTCTGGAAGAGCTAGAATTCTAA
CCTTGTGTCAGGACCTTGCCCGGTTCCCTGTCAGAG

>trans_s_10431XM_002311042|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

ACACCTTTTATTTGCCTTGATGACTACTATTGCTGTTCTTCCTACTGTTTATCTTCGGGACCTATCCGTTCTTAGC
TACATCTCTGCTGGTGGAGTTATTGCATCAAT

>trans_s_10432Novel Gene

TCTGCTATATTTCTATAGGCCCGGTCTTTGGTTTCAGGCAGTTCTTGCTCTCTAATGATACTCGAGTTGATTGG
CACAGGAGCTAAAGGAAAGAATAGATCGTGTGA

>trans_s_10433DQ099540|Petunia x hybrida cytochrome P450 monooxygenase (CYP749B1) mRNA,
complete cds

CATAACATTCTCCCCAGAGTTATGCCTTCGGTTCCTTGGCTCAACCTTTACGGGAGGAACTATCTTCAGTG
GGCTGGAGTTGATGCTCAGTTGATGATTACAGAC

>trans_s_10434AY054596|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g33850; T1B8.15) mRNA,
complete cds

ATAAAAAACGTAGTCATTGTCGTCACCTTCTTTGATAAGGATAGGAATGGTTGGACTTTTTCTCCCCAAAATTTG
CGGGGGGATAATCGAAATATTACACCGAGGGAAA

>trans_s_10435AF435452|Nicotiana tabacum calcium/calmodulin-dependent protein kinase CaMK3
mRNA, complete cds

CAAGGGGTTGTGCACCGAGATCTGAAACCTGAGAACTTCTTGATACATCTAAAGACGAGAACGCACAGTTG
AAAGCCATAGATTTTGGCTTGTCTGATTTCGTCAAA

>trans_s_10436XM_002863560|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cap-binding protein 20 (CBP20),
mRNA

GAGATGATGATCGCCATGCCATGAAAGCTCTAAAAGAACGTCAGATTACGAGTCTAGAAGAACTCCACGG
CGTCCGATCTCAATTCTCCTCCGAACCTTCCTTATA

>trans_s_10437FJ182634|Capsella grandiflora isolate DoukadesKorfuGreece910_21 At1g68530-like
protein gene, partial cds

TCAAACGGGAGTGTTCCATGAAAGTAGAGAAAGGGACTCTGCAAGTAACAGGGGGTTTGAAGCAGGCGTAA
TCAACGAGGAAAATGGTTCTGGGTTTGGACATGAAGT

>trans_s_10438XM_002866784|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata VHA-A3, mRNA

AAAAAATGTCTCGTTGCTGAGGGGTGGGGTCCTGTTTTTGCTACAAAGCAGATTCAAGATGCACTCCAGCGTG
CAGCATCTGATTCCAACCTCCAGGTTGGACCAATT

>trans_s_10439EF617599|Boehmeria nivea beta-amylase gene, partial cds

AGAGTGCAGGTGTAGAAGGAGTTATGGTGGATGCTTGGTGGGGATTAGTGGAGAAAGATGGACCTATGAAA
TACAATTGGGAAGGCTATGCTGAGCTTGTGCAAACAA

>trans_s_10440Novel Gene

GACAGTGGTTCTCCTGGTAGACGAAGCCCTAGTCCAGAGGAAGACTTGCTCTTCTAGGAAGATTCTCTCTTCTA
CGAAGACTTGCTCTTTGAAAGCTCCCTGAAGTCT

>trans_s_10441NM_120279|Arabidopsis thaliana ROPGEF7; Rho guanyl-nucleotide exchange factor (ROPGEF7) mRNA, complete cds

GTACACACCGCCCGTCACATTGCTTTGAGGGCTTCAGACTTGATTGCAGTGCTATCTTAGTTGTAAAACTTAA
ATTTAGACTGATTGGTTAATGGTCACACGGTTTC

>trans_s_10442NM_179531|Arabidopsis thaliana agenet domain-containing protein / bromo-adjacent homology (BAH) domain-containing protein (AT1G68580) mRNA, complete cds

TCTTGTTGCATACTTGGAGGATATGTATGAGGACTCTAGAAGCAACAGGATGGTTGTGGTACGATGGTTTCAC
AAAATTGATGAGGTTGATATTGTTTTGGGGGCGTT

>trans_s_10443AF017159|Hemsleya heterosperma 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCTGGGAGTTCATCAAAGTCACTTTCTTCTCCCTGGTCAGACACAGTGTTATAAAACAGAGCATAGTAAGTC
GTCTGCAAAGGATTCTACCAATCTATCGGTGGGG

>trans_s_10444CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

GATTGATTGACGCTTGAGGCTAGTCCCATTCTACTCACTCAGGAAATCAGGGAAAGTTGCTGATAACCGCGTA
GTGGGCTATCTATCGGGAATAGTGATAGGGCTAGC

>trans_s_10445DQ357538|Eremobium longisiliquum voucher Podlech 35381 (G) internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

ACCACACACAGGTCATTAAGTGTTGCTGGGGCGTACCCCTCTCAACACACCACCCCCGTCGCTACGCACTGCG
CCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGG

>trans_s_10446NM_125917|Arabidopsis thaliana PUB38 (PLANT U-BOX 38); ubiquitin-protein ligase (PUB38) mRNA, complete cds

TACGCACTCCGATCGGAAAGCGAGCGAACTCGAGACGATTGAGTCTGTGTCTCTACAACCTAACAATGATTC
AGAGCAACCGAGTGAAGCTTGCAACAGATTATAA

>trans_s_10447X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

ACTGAACTCTCAGCATGAGTACTCATAGACTGACTACCGAAGATATTCGTGTTACTTCGTCTGCACTGGTTTGT
ACACCTTGTGTGGGACAAGGTCATTACTCCGATC

>trans_s_10448NM_001063452|Oryza sativa Japonica Group Os06g0167000 (Os06g0167000) mRNA, complete cds

CGCGAGCCAAGTTCATGGACTACACTACAGATAATATGTCTATCTATCCATCTCCCACTGGTGTAATGATTGGG
ATTGATCTTGCATATAACTTACATTCTGCCGGTG

>trans_s_10449NM_101877|Arabidopsis thaliana hydrogen ion transporting ATP synthase, rotational mechanism / hydrolase, acting on acid anhydrides, catalyzing transmembrane > (AT1G20260) mRNA, complete cds

AGCGTATCATCACTCCTCGTATTGCTCTTACTACTGCTGAATATTTGGCATATGAATGTGGGAAGCATGTTCTT
GTCATACTGACAGATATGAGTTCTTATGCTGATG

>trans_s_10450NM_001067306|Oryza sativa Japonica Group Os08g0103300 (Os08g0103300)
mRNA, complete cds

TATTTACTATGGACTACAGATATCCAATCTCAGCGTTTCAAGCTTTGCCATCTGTCTCAGTAGCTTTGACACAA
AGATCGCTTGTGAATGACACATCTCTGATCAGA

>trans_s_10451XM_002886588|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata potassium transporter family
protein, mRNA

GTGCCGGCCATACAGATTGCCTTCACATTTGTTGTTTTCCCTGCCTTCTCTGGCATAACATGGGCCAGGCTGC
GTACCTTATGAAACATCCAGATTCTGCCGCTAGT

>trans_s_10452NM_202835|Arabidopsis thaliana transcription factor-related (AT4G17020) mRNA,
complete cds

AGATCTTCCAACTTGAAGCCTCACGGTTATATTAGAAGGCATCGGTTCTCTGGCTAGAACTTCACCATGTAT
TAAAAGCTTTTGGAGGTTTGCTTGGAAGTTGGA

>trans_s_10453Novel Gene

AATACCGTTTCTTGAGATTTAACCCAAGCGCTTCAGAAATTTTACTCTAAGAAATACAGATTTAGCTGGAAGAA
ACCCAGAAAATAGGGCTGCACGAGGTCGGGGTTCG

>trans_s_10454AF284694|Carpobrotus chilensis ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase
large subunit (rbcl) gene, partial cds; acetyl-CoA carboxylase subunit (accD), PSI reaction center
subunit VIII (psal), and ycf4 (ycf4) genes, complete cds; and cemA (cemA) gene, partial cds;
chloroplast genes for chloroplast products

AGAGAGCGGATCATCGTGGATCTTCAAAGCTGAAAAGCGATGAGATCAGTGAGAACTGGCGGTGAAACCG
TAATGAAGTTGAAGATGATTGCATGTAGTTCGTTAGT

>trans_s_10455NM_125995|Arabidopsis thaliana auxin efflux carrier family protein (AT5G65980)
mRNA, complete cds

CAGCCATTTGTGGGGATGTGGGGAATCCTTTTGGGAATCAAGACACGTGTACTTCTCGTGGTCTGTCTTACGC
ATCGTTTTCCATCTACAAGGGGGAGCAAATGTTAT

>trans_s_10456XM_002890729|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata HB-1, mRNA

CATAATCATGAAGAGCTTGAACAACTCATCTAGAGTAAAGGGCCACAGCTCTAGAACATCGGAAAATGTAAT
AAAAAATCTCCAGACCATGAGAAGGTTACCAATGT

>trans_s_10457HM771779|Scleropodium sp. B (BEC-2010) isolate CA_Slo89 internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGCGTTGACTAGATACGATGTAGGGCCCTCTCTGAACAGATGAGGTAGCTGAAAATGAAGAACAAGGTTTAA
GCATGGCGAAATTAGCAGCCATGGAAGATGATGGGG

>trans_s_10458GQ983578|Adoxa moschatellina 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGATATCGAAGAGTTAGTACCGGGTT
AGCCGAAAATCAAAGTTTATCAGAAGCTTGTGACG

>trans_s_10459NM_122032|Arabidopsis thaliana DIN10 (DARK INDUCIBLE 10); hydrolase,
hydrolyzing O-glycosyl compounds (DIN10) mRNA, complete cds

AGAGAGAATTCTGAAGTTCCAGAAGGAGGAGGATCCAACGGAAGGGATCAAGAACATTGTAAACATCGCTAA
AAACAAGTATGGATTGAATATACATATACATACCGTA

>trans_s_10460XM_001418038|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 MFS family transporter:
multidrug efflux (OSTLU_31857) mRNA, complete cds

AGGGACAGTCGGGGGCATTCGTATTTCACATCGGTGATGGTGAAGTATCCAATGAGCCAAACACAGAATT
GTCTAACAGCCGCCTCTCCTGAGATGGCCTGCTCAC

>trans_s_10461Novel Gene

AACGGCTCCTTTGAGATATACTTGTAGGCTTCTTGCAATCCCTTCTGGGAGTGTTCTGAAGATAAATCTAAGA
AGGATAATCCAGAGGATCAACAGAGATATCCCTT

>trans_s_10462NM_113446|Arabidopsis thaliana AFH1 (FORMIN HOMOLOG 1); actin binding /
actin filament binding / protein binding (AFH1) mRNA, complete cds

GACTGCTTGCGAGGAATTGAGGAATAGCAGGATGTTCTTGAACTTTTGAAGCTGTGCTCAAGACCGGGAA
TCGCATGAATGTTGGCACCAACCGTGATAGCATTTG

>trans_s_10463BT025599|Arabidopsis thaliana At5g64816 mRNA, complete cds

AGAGGAGGCATTCTGAGGAGCAGAGAATAAAGATTGCTTGGGGTAGGGAGAAGAATCCGGATGACATTTTT
GTCTGTGAGAGGGTCTGCACATCACCAGAAACACCAC

>trans_s_10464CP001331|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13, complete sequence

GTAAGTATTTAACTTTATTGAGGCTACTCTTTTTTCTCCGCAATTCTTTGGGAGGACCGGGTTGGGATCTG
TGAGATTCTAGGAAAATCAAATCTCCTGGTCCC

>trans_s_10465Novel Gene

GTCACACACCGATCCGGCGTATCTTAAGCATATGTGCACCTGCACTTTTCTTACTTAACAAGTTGGCTAACTA
AACCTCAAATAAATACGAAAGAAAGCCTATCTTC

>trans_s_10466NM_001053177|Oryza sativa Japonica Group Os02g0307200 (Os02g0307200)
mRNA, partial cds

AGGTTAAAGTTGTGGGATGTTGAATCCGGGTGCAATACACTTGTGAATTCGAAACCATGCGGTTACAGACCA
ATAAACCATTCGAATTAGCCACATCTCAGGATTCA

>trans_s_10467HM029361|Lathyrus odoratus acetyl-CoA carboxylase beta subunit (accD) gene,
partial cds; ycf4 pseudogene, complete sequence; and chloroplast envelope protein (cemA) gene,
partial cds; chloroplast

CTGAACGCCTCTAAGTCTTGGACGAAATGCTAAAGGAATACCCAGAAACACATCTACCCCTAGGATGCGATT
CCGAGCACCTCCCATCGAACCGGTCGACAGATGT

>trans_s_10468AY274259|Cucumis sativus tyrosine kinase mRNA, partial cds

CTCTTTCTCTCTATGGAAATTCCTTCAGCTGGATCTGCCAAGACAAATACAACTGGAAGCTATACATCTCCC
TGCCTTCGAACCTTTGCCGCCACTTTTCATTTT

>trans_s_10469AY104005|Zea mays PCO062854 mRNA sequence

TGGGAGGACGACAATGACTTTTTAGTTCAGCTTTGCAAATTGACCGGCAAGCTCCTAAGGGGTGGTGAGCCT
GACTTAACCACTGCAGCAACTTAACTTTTGTAAGT

>trans_s_10470Y13322|Pisum sativum gene encoding asparagine synthetase 2, promoter sequence
and exon 1-3

GTGCAACAACAGGCACCCGAAGACACACAAATAACTCTAGAACTATAGGTGGAATACTACTACCAATAGTGAA
ATGTAATAATGTATCTTTGTAGAGTGTGTGGTCTC

>trans_s_10471NM_117837|Arabidopsis thaliana ATG2484-1; RNA binding (ATG2484-1) mRNA,
complete cds

CCACCTGTTCTTCGACAATATGCTCTCCCAAAGTTTGATTTTGATGACACCCTTCAGGGGCATGTAAGATTGTA
TAGTTTGTTGAACCCGAGGTGTTCTTAGGTATT

>trans_s_10472XM_002875947|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-
containing protein, mRNA

TTTGTGCCAACTTCGTGACATTGCTTCGGGTCTCAGCTCCATGGTTATGCTATTCGATCCGGGCTCAAATTCT
ACCCTCATGTTGCAACACCGTTCTCTCACTTT

>trans_s_10473Novel Gene

CTGGTCAGATCATATTCCAGTACTTTTTGTAAATCTAAATAAATAGAGAAAAAATGATGTATATTACCTAAACG
GACCTGGCTATGTTGATTTTCTGTAGTCTTGTT

>trans_s_10474X16828|Beta vulgaris mitochondrion nad2 gene for NADH:ubiquinone reductase
subunit 2

TCTCGCGGGCGGAACGAGGAGAGGGCCCGGCAATCATACCACCGGTCGAAAAAGCGTGTTCCCTTCAGAT
AAGACGCACCCTAGGCCATCCTCGGCCTTCTCTTT

>trans_s_10475XM_002323188|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

AGATTCGAAGCAACAATGGCAACCAACCTTCTCTGTGCAAGAATGGGACCTTGAAGTTCAATACAGTTTGCA
TCCAAGCAAGTCTCAGCACCATTCATGCCATT

>trans_s_10476GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal
RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

GTCAACCTTTCAAACCTGCTGCTGAATCCATGGGCAGGCGGAGAGTGGTTACCGCTTGACTTTGTAGAATCATC
GGTCTCTCCCCTCCCTACCCCCGCTAAGGGCAAGT

>trans_s_10477GQ997139|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 cytochrome c heme
attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

TGATGGTATTAGGTTATGCAGCTCTTTTATGTGGATCATTATTTTCAGTAGCTCTATTATTTACAACGCTCGGCA
CTTGAGTTGCCAGCAACCAAGCACCTACCCC

>trans_s_10478XM_002867336|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata autoinhibited Ca²⁺-ATPase 10
(ACA10), mRNA

CAATGAGAAAGATGATGGCAGACAAGGCATTGGTGCGAAGACTATCAGCATGCGAGACGATGGGGTCTGCT
ACATGATAAACATCACTATTCTGACCTTGGAATTGAC

>trans_s_10479CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

AAAGTCTTCTCCGATTTCAACAAATACAATACGTCGGAAGTGCCATTGTTGTGATTGTTCTGCTTTTACTACCTC
TGGCCATTGTTTTAGAGAGGAATTGAGTGTTT

>trans_s_10480XM_002866195|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

AGAGTGCAATTCGTGCATTGGGGATAGAGACTGTGATATTTGATGATGAGCTTTCAGCTGGGCAACTGAGAA
ACTTGGAATAATCATTAACCTAAATGGTTTCAATT

>trans_s_10481AB525646|Jatropha curcas DNA, microsatellite marker JCT10

GGCCTCACAATCACTAGCCAATATGCTTTTCTCTCATGCCTTCTTCGTTTCATGGTTCGATATTCTGGTGTCTA
GCGCATCTCCTTGGTGTGGTTAGGTAGGGCTTG

>trans_s_10482AY437554|Lagenaria siceraria TCN1029 TrnR-AtpA spacer, partial sequence;
chloroplast

CAGCCTGGCCTGGCCTCACCCCGCCTGAAGATAAGATATTAGTAGAAAGGATATTCAAATTCAAATATTAAG
ATATTTATGATATTCTAAACACCATAACTCCCCTT

>trans_s_10483NM_001064240|Oryza sativa Japonica Group Os06g0499900 (Os06g0499900)
mRNA, complete cds

TGGCGACACCGGGAACATCCCTAGATTTGATATGCTGAAAGTGCCTCCTTGAATTCATCCGGTTTGAGCTTCC
CTGCCCCGTGCCTTCTCAGCTAACTCCTTGACCTC

>trans_s_10484CP001576|Micromonas sp. RCC299 chromosome 10, complete sequence

TGGCCGTCGTAGTAGAGCAACTCTCATCGAACTCCGGAAGCGGAAGCAGGGCCAAGGGAGACAACCATGGG
TCGTATGCATAGTCGTGTGCCTTTGCGGGAATAAGAG

>trans_s_10485XM_002885452|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRPABC24.3, mRNA

AGTGGGTTTTACTTACCAATGAAGAGAAAAAGACACTACTTGAGAGATATACCGTGAAAGAAACACAGCTAC
CACGCATACAAGTGACCAGTTTGACCATGTTCGTGG

>trans_s_10486AY491499|Populus euphratica zinc finger protein mRNA, complete cds

AGTGTGGTCAGCACTGGGTGTTTCCGAGCAGCGAGGCTGACACCCATTGCGATTAGTTCATCCAAAGTTCCTT
ACCCATTATGCACGAATTCTTGAATAAGCCATCTTC

>trans_s_10487AJ236706|Humulus lupulus H17SL-1 gene for signal recognition particle

CGTAGGCTTGGGCTATTTGGTTCTTAGAGTGGAGGGCATTGCGTGAGGCTGGCTTAACAGAGCAGCGACAAC
TTCCCGCTCCGTGCAGTGGAAGGATAACATTAGTTA

>trans_s_10488DQ226852|Boechera divaricarpa isolate SLW-C-D06 mRNA sequence

CATAGGTTGCTTAGACCTAGACTCGGAGTGCTCGTGAGCGTAATGGTATAAGCCTGCCTGATTCACTCTGGAG
CACTTACATAGCCATCCCCTCGCAAGGCGGAATGA

>trans_s_10489X57163|T.aestivum nad4 mRNA for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

CACCAACACATAGAAAAAGGGCTGAAGAAACCAGTCCATGACTTAACATCAGTAAAATGCTACCTCCAATTCC
CTGTATGTTTCAGACTCCCCATACCAATAGTCACCA

>trans_s_10490NM_127548|Arabidopsis thaliana ATNADP-ME1 (NADP-malic enzyme 1); malate
dehydrogenase (oxaloacetate-decarboxylating) (NADP+)/ malic enzyme/ oxidoreductase, a>
(ATNADP-ME1) mRNA, complete cds

AAATACGGCCCAACACATCTAGTCTTTAATGATGACATTCAGGGGACAGCTTCGGTGGTACTTGCTGGGCTCA
TTTCAGCTCCGGAACCAACCAATAAGCTTCCGTTT

>trans_s_10491EF203258|Gentiana lutea zeta-carotene desaturase (ZDS) mRNA, complete cds

CATGGAGGGGAAAAGCGTCTTATTGATGATGTCTTGGCAACTTTTGGGAGGTGCTGCTTAAGATGTAAATGCAT
CACCGCCTCCTTGCCGCCCTCCACTACGCCAGT

>trans_s_10492Novel Gene

TGACCCACCACACTACATAACACCGGTTACTACCACATAAATGAACATGCGGGATTAGAGTTGAAGAGAAGA
AATTACCATATTGCCTTGTTGTTCTAAGAGTGTGC

>trans_s_10493XM_003079816|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot06g02510) mRNA,
complete cds

CTGGTGACATGTGGATATGTTTCAGTGGAGGTTCTTTGGAGGGCTTAGAGATCGTCAAATGAATAATTCAGG
TCGTTTTGGCAACCGGGGAGGATCTTTCCAGCCC

>trans_s_10494XM_002889252|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata sulfate transporter, mRNA

GGAAATTGTTTTGGGATTGGCGTTTGGGAATTCGTTTGACAGGTTTTGAGTCAGTCCCAATTGGAGTTCTT
GGTGTCTTCTTCTGTTTGCTGGGATTGAGCCAA

>trans_s_10495DQ157699|Solanum chacoense cytosolic nucleoside diphosphate kinase mRNA,
complete cds

GTTGTAGCAACTGGTAGGAAGATCATCGGAGCTACAAAGCCAGTAGACTCTGATGTGGGAACCATACGAGGT
GACTTTGCAATGTCGTGGTTACTTCCACGACAAGTA

>trans_s_10496AY173935|Cucumis sativus ribosomal protein L20 (rpL20) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

CGGCAGTACGGGCTTCGAGCGATCCACAACCTGTCGAAAATTTCTTTTTGCCTACCTCTATCAATCGCCTCTGA
AGCCAAAGCTCTTATTCTCTGTTGAGTAATAGTT

>trans_s_10497GQ998100|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 photosystem I P700
apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

TTCGTAATTACGGGTGAGGCATCGAATAACAACCAATCTCTTTTATTCCTCCAACAGCCTCCCATGTTTCAGCAA
CTGGTTTCTGACTTCTAGTTTCACTGCCTTCTT

>trans_s_10498XM_001691282|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CGGAAAATCCCTCTCCGGTGAAAAATAACCCCGCCCCACCTGGAGGAACTCAGCAGCGACGGCTATGGGTGA
AAGACCGATCCAAGAGCCACACCCCGACCCATGGGG

>trans_s_10499D14044|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for glycolate oxidase, complete cds

AATCCGACTGTTTAATCAACTGTGTTGGGATTCAAAATTTCAATGCCATTATGATTGCTCCCACTGCCATGCAA
AAGATGGCTCACCTGAAGGGGAGTATGCAACA

>trans_s_10500AB294513|Cucumis melo var. cantalupensis ETR2 mRNA for ethylene receptor,
complete cds

GAAAGCAAACCCATGATGGAGTGCATAGGTCTCCTCATCCCATCACTCATTACCTTCTGGAAGGAGTTTCTAGC
TTGGCTTGCCATCATAGCATTCTCCTTGGCCTGT

>trans_s_10501tpg|BK005026.1|TPA_inf: Oryza sativa (japonica cultivar-group) WRKY transcription
factor 23 (WRKY23) gene, complete cds

CTCTTCTTGGTTGGATCAGATCGGGGATTGGATTAGATACATAATTTGGTTTTGTGATATAGGTAGGTGAGGT
CAGACTGGTGCACTGCAGTATCATCTACTGTTTGT

>trans_s_10502XM_002300571|Populus trichocarpa SET domain protein (SDG936), mRNA

ACAATTATATTCTTGGCATCAGCATGGATACCTGAAGGACTCAGTAATGATATACCATGTTGAAAGCAAATTCA
AACCTTCACATTATTTTCTGCGGTGAATGCATG

>trans_s_10503NM_001060075|Oryza sativa Japonica Group Os04g0559400 (Os04g0559400)
mRNA, complete cds

CGACCAGTTGCCAATCAACTTTCCGGCTTCATATGAGAATGGAAAACCTGGAGCATTTTCTGCATCAGTGGATG
ATAGGCTTTCTTCGCTTTTCATCAGAAGGGCGTGTT

>trans_s_10504XM_002877899|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S21, mRNA

CAGGAAGTGCTCTGCCACAAACCGACTCATTACTTCTAAGGATCACGCCTCGGTTCAGATTAACATTGGGCACT
TGGACCTCTTACCGTAGATGTGTCCGGTTGGAGA

>trans_s_10505AF017157|Cucumis sativus 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGACCTCAAGTAGTTTCAGTGAAAGAGAAGAGGGACCAGCATGACCAACCTATGGGACAGAGCATAGTAA
GTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGA

>trans_s_10506XM_002878131|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C2 domain-containing protein,
mRNA

AAGAAGGGTACCACCTGACAGTCCTTTGGCTCCACAATGGTATCGGTTGGATGATCGGAAAGGGGACAAGGT
GAAAGGAGAGTCAATCAAAAAGTTTGTGCCCCCTT

>trans_s_10507AJ506156|Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

CTATTGACCCATTATGAAAATGAGAGGTTTGCTATCACTCTAATCACATCGTTAAGAATCTCAAAGAAGTCGGA
ATAGGAGAGCACTCATCTTGGGGTGGGCTTACTA

>trans_s_10508CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

GATGAAATCTCGTTAATGATTGATGAAAAGGATCTTTGCCCCGAAAGTGACAGTTGTCAATCCAACCTTGCTTTG
CCATATCGACTAGGGGTGGACAAAGGGCAGAAAT

>trans_s_10509AC239778|Solanum tuberosum, complete sequence

AGAGATGGTTGGCATCTGGGGAGACAGGGTCGGGAACAGCCTTCGGGCTTCCTGTTAACACATACGGTTAA
GGCTACCCACCTCTCGAAGGTGGATCTAACCCAATT

>trans_s_10510D83007|Cucumis sativus seedling cotyledon psaL mRNA for subunit of photosystem
I, complete cds

TGGGCCTGGCTCACGTTTCTTTCTGGTTGGTCCATTTGTCAAAGCTGGCCCTCTAAGGAACACAGCCTACGCC
GGAGGAGCAGGCTCTGACCGACGGCCACCAGACC

>trans_s_10511EU650419|Nicotiana tabacum 1-D-deoxyxylulose 5-phosphate synthase (dxs) mRNA,
complete cds

ATTGGCTGCAAAAGTTGATGAATATGCTCGTGGGATGATTAGTGGTTCTGGATCAACGCCGCCAGAGAGCTC
GGACTCTATCGCGCTAATTTCACTAGCAAAGTGGG

>trans_s_10512EF194051|Populus tremula x Populus tremuloides xyloglucan
endotransglycosylase/hydrolase precursor XTH-25 mRNA, partial cds

AAATCAAACTTGACTTTGTTCTCAAATCTCAATCCCATGGACTCAATGAACACTCCCAAGGCAAAGTGGGGA
ACCTTTCGGTATCCTTGCAATAATCATAGATGACA

>trans_s_10513NM_180259|Arabidopsis thaliana methyltransferase (AT3G15530) mRNA, complete cds

TAAAACGATGACCATTCTAGTAGAGATTGGAATCAGATCTATGCGATCTATGGAGTGGATCAATGGCAAACC
ATAGTGTCTTCTTCTTCATGCTCTGTTTTTAC

>trans_s_10514GU722291|Nicotiana benthamiana increased size exclusion limit 2 (ISE2) mRNA, complete cds

TGTACGATTGAGACATTTGCAACAGTTCATCATTTTCAGAAAGACTATTCAGAACCGGCACGTTTAAACTCCAC
GACCATGTTTCTAGAGATCCTTCCATACATGCTA

>trans_s_10515NM_001066591|Oryza sativa Japonica Group Os07g0572100 (Os07g0572100)
mRNA, complete cds

TAGTCATCAAAACGAAATCCGTCTCCAGCGTCCATAAACGTCCGATAATACCACTCCTCTGTTGGATCTTGGA
CGGTACGAACAGCTGCACTGGGCAGAAATCACAT

>trans_s_10516Novel Gene

GCAGGGAACAGAGCCCGGTTGAGGAAAATGAGTTGAAAATCAATGGATTAGCTAGAAATACAGAGGATGGT
CGAAAATCCACTCTCCATGCGCAGCTGTAAGACGTTT

>trans_s_10517AY538501|Nauclea orientalis ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase
large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

ATGGAGTCCTGAACTAGCTGCTGCTTGTGAAGTATGGAAGGAGATCAAATTTAATTTTCAAGCAGTGGATACT
TTGGATCCTTCGTAATTCCTTTTGTATCTTAGT

>trans_s_10518GQ466113|Musa balbisiana microsatellite Mbg21 sequence

TTGAAAACGTGAAAGAAACAAAATAACAAATAAATCTTTGTACATGGATCTCTCAAGCCAATATAAGCCTTTTG
GTCTAAAGCAGCAGCTTCCCCTGAATGTACAGC

>trans_s_10519Novel Gene

CTGTCCGTGTTAGCCCCGCGCGGGCGTAGGCCACGGATAGAATTGTCATTAGTCCTCACACTGTGGTTGTC
TTCAAGAACTTTTTCATTGTCATTCTCTTGATG

>trans_s_10520NM_001062568|Oryza sativa Japonica Group Os05g0514300 (Os05g0514300)
mRNA, complete cds

CATTCTTCGGTTATGTTTGAAAGATAGAAATAGGGCAGTCGTTGCCCCAAACGCCTGTCCGGCCCCACCGAA
CGCGAACATCCCCTCCTCGACGCCTGGGATCTCCC

>trans_s_10521HM122456|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH2)
mRNA, complete cds

TAGAGAAGAACCATTGAATCATGTCTGAAGCAGAGAGGCAGAGGAGAGAAAAGCTTAACCAAAGATTCTATG
CTCTTCGAGCTGTTGTTCCGAATGTATCCAAAATGGA

>trans_s_10522AJ010253|Lamprothamnium papulosum nad1 gene, partial

GCCCTATGTTTCAGATCTGACAATACAATACCATAATCAAAAGGTACAACGGCCCAAGCGACCAGACTTAACAT
AAATGTAGCCACTGGAGCCATTCTAAAAAGGAAGA

>trans_s_10523AF366293|Brassica napus glutamate 1-semialdehyde aminotransferase (Gsa) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GGGTTGGTGGCTGCTGGGAAGAAGGCTGGGCATGCCATATCTGGAGGATACATAAATGGAATGTTTGGGTTT
TTCTTTACTGATGGCCAGTTCATAACTTCGAAGAT

>trans_s_10524GQ245572|Streptopus amplexifolius tRNA-Leu (trnL) gene, partial sequence;
chloroplast

GCTAACGAGTATCGTAAGTCCGATTAGATTGAGCCTTGGTATGGAAACCTACTAAGTGATAACTTTCAAATTCA
GAGAAACCCTGGAATTAATAATTTTACCCCTGA

>trans_s_10525XM_002871173|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATUBA2, mRNA

TTGCATGACGAAGGTGTAGTGGAGTTGTGGGATCTGTCTAGTAATTTGTATTCTCAGAGAGTGATGTTGGTA
AAACAGGGCACTTGCCCTGCTCTCTTCAACCAA

>trans_s_10526XM_002865992|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ARF-GAP domain 5 (AGD5), mRNA

CCATGAATGAAAAGGCCAACGTTACCAAAGAGCTCAACGCCCCGCCACAGAAAGATATTAGAAGGGCTTCTTA
AGCTGCCAGAAAATAGCCTCAACATCAATTGCCCT

>trans_s_10527NM_001069374|Oryza sativa Japonica Group Os09g0314300 (Os09g0314300)
mRNA, complete cds

ACATCTGACAGAGAGATTAATGATGGGAAAGGGTCAACCAAACACTTTGACATTAGCAGAGAACTTGATTTA
TGGGAAAACCTCAAAATACTAAGCTTCACAAAGAT

>trans_s_10528GQ997050|Aucuba japonica voucher FLAS:M.J. Moore 327 ATP synthase CF1 alpha
subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

TAGTAGAATTTGAAGAGGGTACTATAGGCACGAGCTCTAAATTTAGAATCAAATAATGTTGGTGTGTATTAA
TGGGTGATGTGGGTGACTACACTTGAAAGGACCTC

>trans_s_10529X71057|N.tabacum PKTL7 mRNA for protein kinase

GAAACAGTCCTTGCTATAGAGTCCATTCAACAAGCATAATTACATTCACAGAGACATCAAGCCTGATAATTTACT
GCTTGATCGATATGGCCACATTAACGAGAGTCTA

>trans_s_10530DQ357538|Eremobium longisiliquum voucher Podlech 35381 (G) internal
transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal
transcribed spacer 2, partial sequence

ACCACACACAGGTCATTAAGTGTTGCTGGGGCGTACCCCTCTCAACACACCACCCCCGTCGCTACGCACTGCG
CCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGG

>trans_s_10531Novel Gene

AACCTGAGTGTCGTAAAGGCTCGTGGAGTTTAATACATATATATACTCTACATAAAAAAGATCAGCTCAGAG
GGCATGTCCTGTTTCACTTCACTTTGTCCAGTCAG

>trans_s_10532AB083031|Glycine max mRNA for syringolide-induced protein 13-1-1, complete cds

TTGTCCATTGGATTCTGCTTCGTGTAAATATATGACTGTCTCGGTTGGGTACTGCTCAGTCTCCTTTTTTCTGTA
ATCACGTGAGGGAAAAGGGGGTCACCGTGAAC

>trans_s_10533EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GTTTTATGAAACCGTGTGCTATGGCTCGAATCCGTAGTCAATCCTATTTACGATAGGAGCTGTTGACAATTGAA
TACAATTTTGCCCATATAAAAGTAAAAGCATAG

>trans_s_10534NM_001188600|Oryza sativa Japonica Group Os08g0345500 (Os08g0345500)
mRNA, complete cds

ACCTTTGTTGCTTCTCTCTTTTTGCTCTCTTTGGAGGGTTTTTCACTGGCTTTTTGACCTCTGTCCTTTCCCCAAA
CCCTACTGGTTAACGTTTATGGCTAAGAGA

>trans_s_10535XM_002871741|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cobalamin-independent methionine
synthase (ATCIMS), mRNA

CCTTATCTGGTTTAAATGTTCTGATCGAGACATACTTTGCTGATGTTCTCTGCTGAGGCATACAAAACCTCTCACCT
CTTTGAAGGGTGTCTCTGGTTATTCTAGACTA

>trans_s_10536FJ869894|Vitis vinifera rd22-c mRNA, complete cds

CCAAAACTGCCCCAAATCCTCACCCACTTCTCCATTCTCCGCGAGTCTCGAGGCCGAGTCGATTCGAAACA
CGATTGACCAATGCGAAGCACCTGGTATTGTCG

>trans_s_10537X80170|O.berteriana rpl2 gene

CCAACGGATATCTCGGCTCTCGGAGAACATCGAGCATAAGGAATCGAAAGCAGAGAGGGATCAAGGTAGCTT
ACCTGCCAAGCCCTATCCGCTTCCCGGAGGAACGT

>trans_s_10538AF069324|Mesembryanthemum crystallinum 26S proteasome regulatory subunit
S5A mRNA, complete cds

AGCTGGCATCCAGGTAGCTCAGTTGGCTCTTAAGCATCGTCAGAACAAAAAGCAGCAACAAAGGATTATAGTT
TTTGTGGCAGTCTCACTGGGTGTAGAGTTTGAA

>trans_s_10539NM_001057779|Oryza sativa Japonica Group Os03g0745400 (Os03g0745400)
mRNA, partial cds

GATGAGGCTAGCTGTGTTCTTGAACATTTGCAATCCTCTTGTCTCAGAAAGTTTTTACTGGTTTTCTTGTAGCT
TATTCATACTATTCGTGCCGGCCGGGCCTTA

>trans_s_10540NM_115950|Arabidopsis thaliana guanine nucleotide exchange family protein
(AT3G60860) mRNA, complete cds

CTCCTCTAAGAGAAAGTCTTCGCCACTAGTGTGCACCTCAGACCCTGTCAACAGTTCCAATGCGACAATCTTCC
CCTTCATCAACTGTGGATCCGCCATTGCCTCCT

>trans_s_10541AF234652|Mesembryanthemum crystallinum protein kinase MK5 mRNA, complete
cds

AAAGGAAATGGTTGCAATTAATAATTGTGCGTGGAATCAGGAAATACCGTGATGCAGCTATGATAGAAATTGA
AGTGTTGCAACAGCTTGGAAGCATGAATTTCCAC

>trans_s_10542NM_105701|Arabidopsis thaliana ENT1,AT (EQUILIBRATIVE NUCLEOTIDE
TRANSPORTER 1); nucleoside transmembrane transporter/ nucleoside transmembrane transporter,
> (ENT1,AT) mRNA, complete cds

TGAATTTTAATCTGAAGTCAATTTTGACCCAAAACCAAGCAAGAACAGAGCCAATGGCAACTCCCAAAACCAA
AGACATAGCCATCAAAATCCCAGCAACTTCAGCA

>trans_s_10543Novel Gene

TCCGACAGCTCACCCAAAGACTGCAGGTCAAGATTTGAGAGGGGAAACCCATGTTTTAGAGGAAACACTTGG
CAAGGTTAGGGAGGGATTCCAAGTGGGACTCAGAA

>trans_s_10544AY573575|Populus tremula x Populus tremuloides cellulose synthase (CesA4)
mRNA, complete cds

TGAGACTGCTCGGATCAAGTCTGTGAAAGAATTGAGTGGGCAAACATGTCAGATTTGTGGAGATGAAGTAGA
GTAACTGCCGACGGAGAGCTCTCCACATTTCCGG

>trans_s_10545XM_002320610|Populus trichocarpa glutaredoxin (PtrGrx9), mRNA

CCAAGACCCTGATTACAGGGAAATAGAGAAAGCTCTCATGAGGCTAGGATGCAATGCACCAGTACCGGCCGT
TTTCATCGGCGGAAATAGGCAGCCCGTTGTAGGGT

>trans_s_10546Novel Gene

TATATATACGTCCCACTACTAATTCAAGGAAAGAGGATATTAATACAAACAAGGATCCCATCTATCTCTCTTAG
TGAGGTAGCCGAGGCCCCAGGGACCCGGACC

>trans_s_10547NM_105770|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase family
protein (AT1G71010) mRNA, complete cds

CAATCCATCCCGAACTTGGATTTTGGTATCCTTTTCAAGCCATTGTGTACTTAAAGGAACTGTATGTGAGCGCT
CTCGCCTTTATCGTATAAAGTTCTATCCGGCTT

>trans_s_10548GU828008|Gossypium hirsutum high-affinity potassium transporter protein 2
(HAK2) mRNA, partial cds

CATGGAGAGCTGTTTTAACTTTAGCTTATCAGAGCTTGGGGGTTGTTTATGGAGATTGAGCACTTCCCCTTG
TATGTTATGTTTTGTTGAACCTCACTCTCATAG

>trans_s_10549DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

ACCCGTTCCGCCGAAGACCAAGGGTTCCTGTCCAACGTTAATCGGGGCAGGGTGAGTCGACCCCTAAGGCGA
GGCCGAAAGGCGTAGTCGATGGGAACGGGGCGAAC

>trans_s_10550NM_001052418|Oryza sativa Japonica Group Os02g0147300 (Os02g0147300)
mRNA, complete cds

GGTGACATAACCCGCTTTATCATTACCACCATAAAGATCAGTATCGAGGGTCACTGAGCTGAGAGAAGCCAAC
TGCTGCTCCATCTTCCTCCTTCCTCCTGGGTCT

>trans_s_10551XM_003079733|Ostreococcus tauri kelch repeat-containing protein (ISS)
(Ot06g01680) mRNA, complete cds

CAACGGGGGAGAGCGGTTGTTTGTTCGTTTGAATTGCTGTGGCGGCTACGATTTGTAGTGTGTTGTTGGGA
AGCCATAGCCACCACCATGGGGGAGGTGCGTTTGT

>trans_s_10552NM_179157|Arabidopsis thaliana EX1 (EXECUTER1) (EX1) mRNA, complete cds

CGAGAGTAATAGCAACTTGATTCTTCTTCTTCTTGGAGTGGGATTGGGTTAGGTGGAACCGGTATTCT
CTGAAATCGAACAGGCTGAAAACCTTGCCTCTG

>trans_s_10553AY206684|Tropaeolum majus fiddlehead-like protein mRNA, complete cds

GTTTGGCGCTCGATGAGACGCAATCGCAAGCCTGCAAGGAGCCCATGGCTCGATTGCATCGATAGATATCCG
GTTCAATTCTAAACCGATACTTTGTGTTACTTGTT

>trans_s_10554HM363072|Chasmanthium latifolium cytochrome b6/f complex subunit IV (petD)
gene, partial cds; chloroplast

CCTTTGGAAATATTGCCGGAATGGTATTTCTTCCCGTATTTCAAATACTTCGTACAGTGCCACCGCCTGGCGG
TTTGTGGAGGGGGCCGTTGGGAATGCAATTACCC

>trans_s_10555BT003114|Arabidopsis thaliana At3g10190 mRNA, complete cds

TGAAATTTTGGACAAGGCTCGCCAGTCTGCACCTTGTTCTGTTCTTTGACGAGCTTGACTCTATTGCCACTCA
GAGAGGCAGCAGCGTGGGAGATGCTGGAGGTG

>trans_s_10556AB360585|Oryza sativa Japonica Group OsMET2c gene for chromomethylase
OsMET2c, partial cds

TTCGACATTCTATTACGACGCTCCATCTCATTCTCACACTCATCAGTATAGTTACGCCATGGAAGCTCAGCCGA
GCTATCCAGTCTATGGCTTCGCAAATTCAGCC

>trans_s_10557AY081536|Arabidopsis thaliana endomembrane protein EMP70 precursor isolog
(At1g10950) mRNA, complete cds

ACGTGAATCTCACTCAAGAAAACCTAAAACCATTGGAAGTTGGGAAGACATTGGACTTGACATATGCTGTGAA
GTGGATTCGACTAATGTCACTTCGCTCGACGG

>trans_s_10558EU709486|Chiloglottis valida isolate CV1004 microsatellite marker ANU_ChiloCP74
sequence; chloroplast

CATCCCTACCTATTACTTATCTTCTTCAGAGTAACTCGGAATGATATCCATCCGAAGATACATATCTCTTTCTTTT
TTTGATATAGCGGAAGCCCTCTTGAGGGAAG

>trans_s_10559AC019012|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T3J11 From
Chromosome V, complete sequence

CTATAAAATTTGAAGAGCAGACAACAAACCAACAACAGTAAAAATAGACATCCACATATTGATTTCAAAGGG
AGGAAGACAAAATGATACCAAAGAAAAGACATAA

>trans_s_10560EF534219|Eucalyptus grandis beta-tubulin (TUB1) mRNA, complete cds

TGCTGGAAACTACACCGGAAGTAGTAGCCTTCAACTCGAGAGGGTTAATGTTTACTACAATGAAGCGAGCGG
GGGACCTATACAAGGGAGGGGCTGTTTTGGGGGACC

>trans_s_10561AL161560|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 60

CCTTGATTTTGCTTCTCCGTTTTTATCAGAACTAGCTCGCCCCACTTCAACTGACTTCTTGAAAAATTTAACAC
CTTCTCAAACCCAGCTAGTAGCATTTTCCA

>trans_s_10562NM_105700|Arabidopsis thaliana UPL2 (UBIQUITIN-PROTEIN LIGASE 2); ubiquitin-
protein ligase (UPL2) mRNA, complete cds

CAGTCAAAGAACTCATTGAAATTGCTTGCAGCTGTATCAAGAAAAGGCTTCCATGTGAAACAATGCATGCT
GTTCTGCAGTTATGCTCAAGTCTCACCAGATCTC

>trans_s_10563FJ047702|Pinus taeda isolate 4492 anonymous locus 0_11870_02 genomic
sequence

CAAGTGAAACAGTATTTGCTCAGGGAATGGGGGGGCTGTGTACTAGGCAACTGTGATAGTTTGAGCTTGTTT
CTTAATATTGAAGGGTTCGACTGGTTATATAGGGC

>trans_s_10564XM_002867291|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle receptor
alpha subunit family protein, mRNA

ACCTACCCGACGCCACATACACGCCCTGAAGAATCCTTTGATACACCGCAACAAATACAAGGCCAAGCTCATT
GTGGAAGGTCCACTTGAGGGTGTAAAGCAGCACCT

>trans_s_10565XM_002324035|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

GAGGATCACGATTCCCGAGAACTTGAAGCTTTTGGTAGAATTGGATCAAGGCCCGAGTCATCAGTTCTTCTGA
ATTCCTCAATTCCTTCTTATTATATGATAACCGA

>trans_s_10566X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

TGCCTGGCGGCGATAGCGCGGTGGTCCCACCTGACCCCATGCCGAAGTCAAAGTCAAACGCCGTAGCGCCG
ATAATAGTGTGGGGTCTCCCCACACAGTCTGCCCC

>trans_s_10567AL161585|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 81

CGTCGCCAATTTGATCCCGTCAAGCGGACCTGAGCTGCGGAGGATCACATTCCACCAATTATGTTATCACTTT
CCATTCATGATGTTCCATTCCCCTGTAGTGGTA

>trans_s_10568CP000595|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 15, complete sequence

CATCACACCAATGCAGGAAGGAATATAAGTGGAATGGGAGACCACCGAAGCTGGGCCAAGTGATAGGTTATT
GTTGGTTGGCTTTGGGGCGGGTTTTGCCTCAAAC

>trans_s_10569X60239|Maize B73 cms-T mitochondrion mRNA

AGTTCGAAGAAGATCTTAATCTATAATGAAGAAATGATAGTAGCGAGTTCTTTTATAGGCTTTCTTATATTAAG
TCGGAAGAATTTAGGGCCTCAGGGAAAAGGGAC

>trans_s_10570X72616|A.thaliana mitochondrion gene rp12 (last exon) and OrfX

AAAAACGACGATTGTTTCGTGAAGGTTTCCACAGAAAGACCCCTCTCAAGATCGTTTGTGATCACAATTACAGG
TACCTGGGAGCATACCGATAGAATGAACGAAATA

>trans_s_10571AY124842|Arabidopsis thaliana At1g22970/F19G10_8 mRNA, complete cds

GAAGGAATCGGTCTCTTTATATGGACCACAAAATAATCAGGATCCAAACCAAGTCGTTCCGCAGTTGGTTGGT
GCAGTTTGGGACGCATGTTCTGCTCTTAAGAAAG

>trans_s_10572NM_001161030|Arabidopsis thaliana heme transporter (AT2G07768) mRNA,
complete cds

GGTGACAGAGACTGTTCTATAAGTGGAGATCTCTTTTTATAGGTTCTACGGACCGATGCCTGCTGCTTCATC
TGGGAGAAAAGAATCATTGTGAAGTCGGGGTTT

>trans_s_10573NM_113818|Arabidopsis thaliana AAR3 (antiauxin-resistant 3) (AAR3) mRNA,
complete cds

AGGGAAAACTTTAATCCCGAAAGAGAATCTTCAAATACACCTGACTCTGATTCTGAGTCTCCACAAGTACAAC
ATAACTTTGAACTTTATTAGATCCTGAGCGCC

>trans_s_10574AJ538844|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT2-M12-008

AACGTGGATCCAAAGAAGGAGAGAGAACCCTGTAGTCACTACTCAACGTGTCATGGTCTCCAGCTTCTGATCA
AACACTTCGCCCATGGGCAAAAACAGACCTTATG

>trans_s_10575DQ123471|Passiflora tryphostemmatoides ribosomal protein S4 (rps4) gene, partial
cds; chloroplast

AAAACCTCTTCTTCAATACTCAGCCTTTTTCTTTCGGTTTTGGAAAGAAATTCACCACATTTGGCAGTCCCTGA
AGGAGCTACTCTTGGTCTGACTCGGGAGACT

>trans_s_10576XM_003080217|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot07g01590) mRNA,
complete cds

TGGGGACCCCCAAAGCAAAAACCTCTGGGAACTCCGCCGCGTCGGCCATATGTCTAGATTGCCATACAGCACT
TACCCATTCATTTTGGGTGAGCGTGGCATATTTA

>trans_s_10577NM_179157|Arabidopsis thaliana EX1 (EXECUTER1) (EX1) mRNA, complete cds

TCTCAAGATTCAGATGATCCCTTTGGCAGATTAATACGTATAACTCCTGGAGTTGGCAGATTTATTGGTAGGG
GTTACAGTCCAAGACAGTTGGTTACAATGCAAAA

>trans_s_10578NM_001050803|Oryza sativa Japonica Group Os01g0752700 (Os01g0752700)
mRNA, complete cds

GAGCCGACTCAGGAACGTGGCAGTGATTGCTCATGTTGATCATGGAAAAACAACCTCATGGACCGTTTGCTC
CGGCAGTGCGGCGCGGATATACCACACGAGCGAG

>trans_s_10579NM_001063619|Oryza sativa Japonica Group Os06g0203200 (Os06g0203200)
mRNA, complete cds

AAGGTAGCATTGTCTTGAGAAAATCCAACCTCTTCACCTTCTCCAAAAACGGTCTCGTCATCGACGACGACGAC
ACCCAACCTGTGCAAGCACTGCAGCAGTAAGAG

>trans_s_10580Novel Gene

ATCAGGGGAGTCAAAGTCATTACCATTAACAGAAAGTATGGAAAGCAAAGTTGTGTCTCCACAAGATCAAGCT
GCAGTTTCTTGCAATTGATGAGAGCAATCTTGAGC

>trans_s_10581AB240966|Glycine max GAD mRNA for glutamate decarboxylase, complete cds,
note: maturation period

GCGTCCTTTGTTACTACCTGGATGGAGCCTGAGTGTGATAAACTCATCATGTCTGCCATCAACAAGAATTACGT
TGATATGGATGAATATCCTGTCACCACAGAGCT

>trans_s_10582S83742|U6 small nuclear RNA {coding region} [potatoes, Genomic, 102 nt]

ATATCCGTTGCCGAGAGTCTTCTCGATTTGTGCGTGTGCATCCTTGCGCAGGGGCCATGCTAATCTTCTCTGTAT
CGTTCCAATTTTATCGGATGTCCCCGAAGGGA

>trans_s_10583NM_179113|Arabidopsis thaliana ACD1-LIKE (ACD1-LIKE); 2 iron, 2 sulfur cluster
binding / electron carrier/ oxidoreductase (ACD1-LIKE) mRNA, complete cds

GTGTCGCTATATATCCAACAACAGTGCAGAATGACATACTGTGGTTCTGGCCAAACTCGGACCCCAAATTCAA
AGATATCATTTTGGAGAAGAAACCTCCCCCGCC

>trans_s_10584EU250005|Ipomoea batatas thiamine biosynthetic enzyme-like mRNA, complete
sequence

CCATTGCGTCGGGTAAATATCTTGGATGAGGTGGGTGTGGAGTATGACGAGCAAGACGACTATGTCGTGATA
AAGCACGCGGCTCTGTCTGTACTATGTCGACGTCG

>trans_s_10585AY564238|Cucumis sativus male-specific expression region sequence

AGGTTTAAAGATAAAGTGGGAGGAAATCGACTCTGTTGGAAGCACATATCATTGATTGTCTAGTGATGAAGA
TTTTGTACTCGACCTTAAAGACGGTTATAATAGTA

>trans_s_10586NM_130282|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR)
family protein (AT2G47140) mRNA, complete cds

CAAGCAATGGTGAAGCAGAAAATACGAGGGTCGATCATCTGCACGGGGAGCACGGCATCAGTAATTCCTTG
AATATATCGTTAACGGCATAACACAAGCTCAAAGCA

>trans_s_10587AF262928|Stelis guatemalensis isolate SOT6850 internal transcribed spacer 1, 5.8S
ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, partial sequence

CGGGTCCATATCTTTGAGCCTTTGAATTTGAAGGATAATTCAGGGTCCGTCCGAAGGTGAAGGGAAGAACTC
GACTCCACGGGGCGGTTCTTTGAAAGTCGACTGA

>trans_s_10588GU233491|Prunus mume strain Jiuguanzhusha SSR marker 25 genomic sequence

AAGACATCGATGTTGCTGAAGCATAATGAGAATCACTTGGATACAAAGAAGAATTAATCGAAATCGCATAAAC
AGTGGACCAGATGACATTGCTGGCTTCATCTCCG

>trans_s_10589EF159942|Citrullus lanatus phytoene desaturase (Pds) mRNA, partial cds

AGAGTGGATGAGAAGTCGGGGGGTACCTGATCGTGTAACAACGGAGGTGTTTATTGCTATGTCAAAGGCTCT
GAACTTCATTAACCCCGATGAACTTTCTATGCAAT

>trans_s_10590AY106836|Zea mays PCO149275 mRNA sequence

CGACCCTTTTAAGCTCAAATTTATCCTCTATTTGGACATACACCCAAGGTCTGAGGGTGTCAACGTAGGTAT
GATCTCAACCAACAACATAGAATGATCTGCATT

>trans_s_10591AB061795|Bruguiera gymnorhiza bg55 mRNA, complete cds

CAAAATTAAATACATGGTTTCTGTGGCGTTGGCTCGAAAGATCTCTCAAATAGCAGATGATCTTAGGGTTGCC
AAATTTATCCTCGACTCATCTGATCTCTCTCGAA

>trans_s_10592EU161335|Lagarostrobos franklinii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTTGCTGATGCGGACAACAAAGAATTATAACAAATATAAAAAATATCCAAATTTCTAACTATCACGGAATAAGT
AAAATAGGACAGTGGGAATCTCGTTAATCCATT

>trans_s_10593XM_002869387|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AAACCCAAAATGCCAAAACCGCCACTGAAATCGATACGATCTCTTCTTCGTCTTCCGATAGCCGAGAAGGTGA
GACCGGCGACCGACTGAAAGTTACAGGCCTGGGT

>trans_s_10594GQ373182|Arabidopsis thaliana callose synthase 10 (CalS10) mRNA, complete cds

AGGAGGACAACATAAGAAATCAGCGAGAGCATGTGGTTCTCATGGTAGCAAATGCTCAATCTCGTCTTGGCA
TACCTATATTACGACTAAAGTGTCTGCACCCTGGC

>trans_s_10595NM_123772|Arabidopsis thaliana MATE efflux family protein (AT5G44050) mRNA,
complete cds

ATTACTAATGATGTCATTAGTGCCTGTTAGTGGTCAAACCTGGCTCCTTCTCCATTGCCTGCTCCGAGCTCATTT
GCCACTCTTACTCCTACACCCACAAAGAACT

>trans_s_10596DQ875138|Nicotiana benthamiana myosin VIII-1 mRNA, complete cds

TTTTTCCACTAACGCTCACAGCAGCAAGCATTGCAAATACACTGTTCTGATCTTCTTTGCTGATATGGACAACAT
CCAGTGCTTCCCTGACTACGCGAAACTCCTCA

>trans_s_10597HM855234|Withania somnifera farnesyl pyrophosphate synthase (FPPS) mRNA,
complete cds

AGGTGGGAACAGACATTGAAGATTTCAAATGCTCTTGGTTGGTTGTGAAAGCTCTGGAGCTATGCAACGAGG
ATCAGAAGAAGTTATTACATGAGGCTTATGGGAAA

>trans_s_10598AY452686|Glycine max cultivar Forrest NBS-LRR type disease resistance protein
RPG1-B gene, complete cds

TTGCAGGTGGCATTTCGGAATCTTGCGCTGCGCTTTATTGTATTTTTGCCTAAGTAATAAAAATCCCACTCGATA
TTAAATTGTTTCTTGGCAGGATCAACCAGGTA

>trans_s_10599AB491638|Pyramimonas parkeae gene for 26S rRNA, partial sequence, strain: NIES-
254

TGGGCCATTTTTGGTAAGCAGAACTGGCGATGCGGCGCATTAAATAAAAAGTAAGTGTTCATTAGAAGGGT
TTTTAAGGAAAATTTATAGCTTGTCAGTTGAGTC

>trans_s_10600XM_002506576|Micromonas sp. RCC299 chromosome 15 dynein gamma chain,
flagellar outer arm (ODA-DHCG2) mRNA, complete cds

ATCCAATTGATCAAGATGCACACGTCTTCGATGCGAACGCGTGCCCCATGTCCTCTAGTGGGCGCGGCTCACC
CTACCGCAGATTCACCAATAAGATAAGAACCATT

>trans_s_10601NM_117629|Arabidopsis thaliana PUX5 (Arabidopsis thaliana serine/threonine
protein phosphatase 2A 55 kDa regulatory subunit B prime gamma); protein binding (PUX5) mRNA,
complete cds

TCCCAAACAATTGGCTGAATTGGATCAAACATCGAACAAGCTGGAATAGCCAATTCTGTTGTGATTAGAGAA
TTCTAACAGGCTCAAAATCATTCAACACCATTTT

>trans_s_10602XM_002879678|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acetyl co-enzyme A carboxylase
carboxyltransferase alpha subunit (CAC3), mRNA

CATGGAGATCGTGCTGGGTACGATGATCCAGCAATTGTTACTGGCATTGGGAGCATTGAAGGTAAAAGCTAC
ATGTGTATAGGACATCAGAAAGGTAGAAACACCAA

>trans_s_10603AF319474|Cucumis sativus alpha-expansin 8 mRNA, partial cds

TGGCTGAGCCTGCCTTTCTCAAATCGCTCAATACCGTGCTGGAATCGTTCCTGTTTCCTTCAAAGAGTACCT
GTATGACTCCTTTCTTCCGCCTCGGACAACGG

>trans_s_10604AJ515535|Antirrhinum hispanicum slf-S1E gene for S locus F-box (SLF)-S1E protein
and slf-S1 gene for S locus F-box (SLF)-S1 protein

AAGAGTCGATAAAAGCTCTAAAGGAAGTACATGCAGGCATCTGTGGAGCACATCAATCGGGACCAAAGCTTC
AATTCAGTTGAGAAGAATGGGCTATTATTGGCCT

>trans_s_10605XM_002873895|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat family protein, mRNA

ACCGAGGTCAAGTCAAGTCGAAATTCTCAATTCTACTTTTTCATGGAAGGAAGCCGATCGAGCTGCTGCTA
AGCGAGCTACTCATGAAGAACGGCTCGAACGATT

>trans_s_10606AY939869|Malus x domestica plastid alpha-amylase (AMY10) mRNA, complete cds;
nuclear gene for plastid product

GGATGGAGGCTTGATTTTGTGAGAGGATTCTGGGGTGGTTATGTGAAGGATTACTTGGATGCAAGTGAACCT
TACTTTGCTGTTGGTGAATACTGGGATCCCTGAG

>trans_s_10607L42837|Chamaetrichon capsulatum large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial
sequence; chloroplast gene for chloroplast product

AGACCTGTGTTTTGATAAACAGTCGCTTGGGCCTATTCACTGCGGCTCCTCCTATGAAGGAGCACCCCTTCTC
CCGAAGTTACGGGGTCATTTTGCCGAGTTCCTT

>trans_s_10608FJ576473|Boechera stricta ecotype ID89 locus CO genomic sequence

TCAACAACTTCAACCTGCCGTTGTTGGTACTGTCTTTGTGATACTTGCTTCCAACAACATCTTCCGGTT
CTCACCATTTCATCTGGTTAACTCTACTGCG

>trans_s_10609NM_001060858|Oryza sativa Japonica Group Os04g0685900 (Os04g0685900)
mRNA, complete cds

AGTGCCTAACGTCAGCTGGGAAGACATTGGAGGTCTTGAGAATGTCAAGAGAGAACTTCAAGAGACTGTACA
ATATCCAGTGGAGCATCCTGAGAAGTTCGAGAATA

>trans_s_10610XM_002302133|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

TAAACTCCGTTGTGTATCCATTGACGTCAGTTCCTCATCGCTTATTGTACACTCCCAGCCGTCTGCCTGCTTA
CAGGGCAGTTTATTGTACCCGAGGAAAGTGTG

>trans_s_10611NM_001060319|Oryza sativa Japonica Group Os04g0604000 (Os04g0604000)
mRNA, complete cds

TACTCTGCTTCCTCACTCCAGGCTTTTACTCAAAGGACCATCCAAGCTTCTTCCATCCTCAACAATGGCAGCTCA
CAGGTTGCCCACGTTGCAAACCTCGTCCTATGG

>trans_s_10612Novel Gene

AGATGGCGATCTGTTGCTTCAACAGAGCGATCGGGAAGATAGGGTTATACGGTGGCTTCAGGCGCTAGATAT
GCAAGTTATGGGCGCTTGTCGGGCGTCATCCCTCA

>trans_s_10613CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

AAAGCTCAATTTTATTCATGTTGTTGTTTCTGTCTAGGATTTACTGATTGTTATACTTGTAGTTTGTCTAATTTT
ACGAATATTCTCAAGACGCTAGGGTTAGTTA

>trans_s_10614XM_001699106|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTTTTAAAGGGAGTCGGCGGTTGTTGATTATGCCACCGCCGTCACGGGTGATCGCGTAACAATAAGTGGGCA
GCCTCGACGACGCTCGGCGCGGCGCGTGCATTCCA

>trans_s_10615Novel Gene

TGGAAGCACATTAAAATTTGAGAGAACTTTATGACGTATGAGTACTACAATTCCTCTTGTCTTTCTAATTGA
AATCAACTGTCTCTGTTGTTGGTTAGAGTTGG

>trans_s_10616XM_002880771|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nitrate transporter, mRNA

AATAACTTTTAGCGCTATAGCATCGAGACAGAACAAATCCCGTACGCCCAACTTCGACCCACTTCATCTTGAAT
ATAAACCAACACTGTGACAGCCATCAAAGTCCC

>trans_s_10617NM_127781|Arabidopsis thaliana binding (AT2G22125) mRNA, complete cds

CCAAACTGCTTTACTAAAGTCTGTTCAACAATTATAGGATCTGATGCTCTGGTGGCTTCTTCTTTGCTATCATAT
ATCATAAGAGCTGATGCTAAAGCCCCTAATGT

>trans_s_10618NM_001065206|Oryza sativa Japonica Group Os07g0100500 (Os07g0100500)
mRNA, complete cds

AAGGCCCTCTATTTCTGAATTAAGTGAATCAGTGAATCACGTCTTGGTTGCTTTGCAACACGCCTTCGTGCCT
ATCTCGTGGAGTCCCAAGTGGTAGCCAACAACGA

>trans_s_10619NM_001063042|Oryza sativa Japonica Group Os05g0594500 (Os05g0594500)
mRNA, complete cds

CACAAGAACAGAAAATTCAATTTCTTATGTACACTTTGATAGAAGAAACTACTTGCTAACCTAAAACTCGTG
TTCCGGAAAGGCTACTCCAAAGGCGTAACGATC

>trans_s_10620NM_118263|Arabidopsis thaliana B160; protein binding / transcription factor/ zinc
ion binding (B160) mRNA, complete cds

CCATATGGTAGAACCTGCAAGTCGCAACTGGAAGAATATTGACATTCTTGAACGAAATCGCCGTGGCTGAA
TCGGTCTGGATTCTGCCCCAATCTTGGTTCCGCA

>trans_s_10621AL161596|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 92

GATGTAAGTGAATTGTTGGATGTCTTCTTTGGAACTGTACATGAATTCCATCTATGTAGTTTTGTGATTATTA
TTGTCCTGCACGTTTTTCTGCGTCCCAACGTG

>trans_s_10622FJ905475|Dimocarpus longan THESEUS1 mRNA, partial cds

GAGTGTTCATCCAAGCTCCCAGCTTGGTTGCTTATCTTCATAATCTCCAACCCATTTCATGGTTGCATTGGTGAT
GTCTGCCATTGTATCTGGACCAACACTAACAG

>trans_s_10623AF239177|Prunus persica major latex-like protein gene, complete cds

ATAAGAGACCTCATCATATCTCAAACGTCTCTCCGACATAATACACGGTGTTGATCTACACGAGGGCGAATG
GGGCAAAGTTGGCTCGATCGTCGTAGTTCTCGCG

>trans_s_10624NM_001062205|Oryza sativa Japonica Group Os05g0441400 (Os05g0441400)
mRNA, complete cds

GATTGAGTTTGAGGGACTTTCGTTGACTGAATCCATCCATAAACCTAGACCCCGCAACCTTCTACACCAAAGC
CTCACGACAACATCCCCGATCAGATACCGTCCT

>trans_s_10625XM_002892919|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATB beta, mRNA

TCAGTGCAGACGGGCTTCACTTTGCAACTGGATCTTATAGCAACCACTTACGGATGTTCTTATGGCTCTGGG
AGTTCGGAAGGGATCACTACAGAAGTGGGAAAG

>trans_s_10626Novel Gene

TGAACAATGAACGAGTAAATTAACAAAAGGGTAAGAGGAGTTTCTTTGTATTAATCAGTGTGTATTCTGCAA
GATGGTTAGATACGAGGCAGCTCCCCGTGCCTTC

>trans_s_10627BT030025|Arabidopsis thaliana At3g62260 mRNA, complete cds

CTCAAGGACCTCCATGTCCATCGAATACCCCATAGAAAGCACTTGGCTTGGGAACTTAAAGAGCGATCCTAA
GTGTGAAGATAAAGACGCTATCCTTATATGTTCA

>trans_s_10628CP001334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 16, complete sequence

ATCAGTCGACTTTCAAAGAACCGCCCCGTGGGAGTCGAGACCTTGTTCAATTGATTCACTCTCGCTCTCCTTTCA
GTCGAGCCCTCTCCTCGGCTAGGCCTCTTGAGG

>trans_s_10629AJ492720|Ilex glabra plastid partial rbcL gene for ribulose-bisphosphate carboxylase,
5' end

AGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTATGCGCAGAAGTCCGCGTCCCAGTTTCTATGACTATAGAACCGTC
GTAAGGCTCATTCTCCTCAACCGGGAGTTCCAC

>trans_s_10630Novel Gene

TGTCCTTTTTTCGCTGAAATTCCTGAGCTCAGACGGATCGAGGGAGACGTTAGAAAAGATGAGAGATGAGAGA
AATGGATGAGAGATTAATTTTTGTTTCGAATTTTC

>trans_s_10631GQ917181|Glycine max cultivar Kefeng No.1 rubisco activase (RCA03) mRNA,
complete cds

GCCAGCAAAGTAATGTCACACAGATTTTGAATTCTATGGCTACGGGAAAGTCTTCAAAGTGCCTTTAGGAA
GCTTATGGGGCTCCCCCTAGCAAAAGGGATGAAC

>trans_s_10632GU295068|Gossypium hirsutum thiazole biosynthetic enzyme mRNA, complete cds

CGTAAGCCAGCCCAAAATATCTTGGATGAGGTGGGTGTGGAGTATGACGAGCAAGACGACTATGTCGTGATA
AAGCACGCGGCTCTGTCTGTACTATGTCGACACTC

>trans_s_10633Novel Gene

TCGGAGCTCGGACTCCTACTTCTCCTTTTGACATGTGAGATATGATAGTGATATCAATACTTATACTCTTCGACT
CCAAAGAAACCTACTCTTGAGTCTATCCGCGA

>trans_s_10634XM_002880268|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata photolyase/blue-light receptor 2 (PHR2), mRNA

GGGTCTAATCTTGTTGTTGCGAATTGGGAAACCTGAAACTGTTCTTGTTGAATTGGCTAAGGAAATTGGGGCTG
ATGCAGTTTATGCTCACTACTCTACTTTGTCTCC

>trans_s_10635NM_001059419|Oryza sativa Japonica Group Os04g0442800 (Os04g0442800)
mRNA, partial cds

TCAACGGTTAGGATAATTGCCTTCCAAGACAATAGACCCGGGTTGAGTCCCCCTCCCCCACCACGCCTTGGC
CGTACAGCAGCCTCTTACACAGTCTTACTCCCA

>trans_s_10636Novel Gene

CGCGTGGTGATATTAGATCAATAATTTCCCAAGGTGTTTCATCGTTGCTCGATAATTTTTATTATTGTTATCCGA
CCTACATCTGAACTCCACATTCAAAAAAATTT

>trans_s_10637DQ875138|Nicotiana benthamiana myosin VIII-1 mRNA, complete cds

TTTTTCCACTAACGCTCACAGCAGCAAGCATTGCAAATACACTGTTCTGATCTTCTTTGCTGATATGGACAACAT
CCAGTGCTTCCCTGACTACGCGAACTCCTCA

>trans_s_10638DQ417752|Zea mays B73 pathogenesis-related protein 2 and GASA-like protein
genes, complete cds

GATGGATAGCCCTTTGACGCGGAGCTCTACTCCTAATTCCTCACCTATCTCAAATCCTGGTTCACATGATGAAA
ACCCACGTGTTAAATTCCTGTGCAGCTAGAACC

>trans_s_10639FJ014479|Camellia sinensis 50S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

GGCGCTATAGTGCTTGTGGAGAAGGCAGAGGCCGAGAAGGTCAACCGGCTTAAATCCAATTACATCGAGAAA
ATCGTGCCGTTATCCGCAAGTAGACCTCTTCGTCT

>trans_s_10640AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

AATAAAGTAAAAGTATAAATAAACAAGTCCCACACACAGGAATCTGTCGATATTTCCGATTAAATCCTCTTGTT
TGTAGACGTTCTATAGTAAAAAATTGCTATTTC

>trans_s_10641GQ998728|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase
CF0 subunit I protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

AAGACAAAAGCTAATAGATTATTTAGTGAATTACTTTCATCTAACAGAAAGGTAAGTAAAGTTTTCTTCGACGA
TCCCTTCCCGAACCAACATGAATCTTTCGATT

>trans_s_10642XM_002867750|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WRKY DNA-binding protein 31
(WRKY31), mRNA

GTTGCGATGATTATAAAAATTCCTCGTTCTGAATGCTATTATTGCAATGCAGTGAGTGTTCCGTGTTTGCAGAG
CGCAGATGTCGTTGGGTGAACAAGACCAAATCT

>trans_s_10643Novel Gene

AATTGATCATATTGAACATTCGATAGATCGTGCATCAGATTCTACCTCCTACTCGTCTGAAAGTGAGTTCCGG
AGAGTATATGGTCCTTTGCGGCTACCGTGCTAG

>trans_s_10644AJ271627|Pinus sylvestris partial mRNA for phytochrome N (phyN gene)

GAAACAGCCCGGATCACCTGAGAATATTTCTTGTTATGCTCTGGTCTTAGGTCTATACTAGCCTTTATCGGTTAT
GAATTATGGGGGACACGTTACGAATTCTGCTA

>trans_s_10645XM_002300850|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP78A20), mRNA

TCTGCTTGATTTGGAGAAAGATGACAACTCTCAGATTCTGATATGATTGCTGTTCTTTGGGAAATGATATTTA
GAGGAACTGACACAGTAGCCATACTTCTAGAAT

>trans_s_10646Novel Gene

AAGGCTGAATATGATGATCTCCAAACCAAATGATCTCAGAAATCTTTAGTTGTGTATATGTTGTTTCTGATTG
AGACCAAAGGTCCTTTTCTTATGTTTTATTTTC

>trans_s_10647GU060644|Vitis vinifera 3-deoxy-D-arabino-heptulosonate-7-phosphate synthase 02
mRNA, complete cds

ACGGAATTTGCCAAGAGGATTAGCAACACCTCTCAAAAACTCAACATGTGCACCATGTTTCATGTCTAGTTCGTT
CTCCAACCCAAAGCATGTGAGCCGAGCAGTCAT

>trans_s_10648XM_002883978|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein transporter, mRNA

CATTGGAAGCTCAGAAAGGTTACGAACAATTTGATAAAGTTCTCATGGGACTTCTACGAAGATTATTAGACAAT
AACAAGAGGGTCCCCTCCTTCATCCACCTCATCC

>trans_s_10649CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

ATAACGGGCTCCCATCTAGTGTA AAAACTAGTAGGAAAAGTGAAATGGCCAGGAAGAGGTGCGATGGAGTC
GTCTTGAACATTTGTAGCTTCGTAAGAATAGCGTCT

>trans_s_10650HM363077|Chasmanthium latifolium photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB)
gene, complete cds; chloroplast

TGGGTTACTTTTTATTGGCACTGGAAGTGTGCTGTGCCGCAATGAAACGGTACCCTGTGGCCCGGCAGGCTCC
TTGTCCGCCCAGCAAAGCAACCGGAGAGCCGCTC

>trans_s_10651DQ914795|Cucumis melo xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 2 (XTH2)
mRNA, complete cds

GGGTCGACTACCTCTGATTTCCACACCTATTCAATCCTCTGGAATCCCCAAGGAATCATATTCTCGGTAGATGG
AACACCGATCAGAGAGTCTGAGAACCACGAATC

>trans_s_10652AY792593|Cucumis sativus ethylene response factor 1 (ERF1) mRNA, complete cds

GGAGTGAGGAGATTTTTGCACTTCCTTCACGTTACCGACGTTAGGCTTGACGGCAACTGCCTTCTCCCTCGGTG
CCATTAATCCCGATAATCCAGATCAAAGCAAAT

>trans_s_10653XM_001695737|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGAAATAACTTTGCAAGGAGAGCCAAAGCTAAGACCCCCGAAACCAGACGAGCTACCTAAGAACAGCTAAAA
GAGCACACCCGTCTATGTAGCACTTACTCAAAGAG

>trans_s_10654EU673811|Bahioopsis reticulata isolate Bah2 locus 2213 genomic sequence

TCTAGATTTTCTTCTACCCTTGTTGTTGTTCTTCTTCCAAAAGCCATTCTTATATCCCAAGCTCGAGCCCTTTA
GCCGTTCTAAATTTGATCGCGCCGCCGGGAA

>trans_s_10655XM_002505768|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13 ATP-binding cassette
superfamily (MICPUN_87771) mRNA, complete cds

TGAGTCTAATTAAAGAAACGATTTCCAAAAGGAGTGGACAACATCTCTATGCTGGGCGAATGGGCTTTAACCA
TGCTGCATCGGGACAAATAATAGTCGTTGGCTCG

>trans_s_10656EF585863|Sonneratia apetala isolate Sonn393_4 microtubule-associated protein 1
light chain 3 gene, partial cds

CGGTGATTACCCCTAGAAATATGACCTCGAGAAAAAGATAATAAAGAAAGACGCTATAGAAATTATCGCCCAA
CCAATGTAGATGTTGGCTTATGCTGGTTTTTATT

>trans_s_10657GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

AAGACGATCTAAAGAAGGCTTATAGAAAGGCCGCTATCAAGAACCATCCTGATAAAGGTGGCGACCCCGAAA
AATTCAAGGAGTTTCGTGTTGCGTTGCCTGTAGT

>trans_s_10658NM_105587|Arabidopsis thaliana kinase (AT1G69200) mRNA, complete cds

TTTGATTTTGGTATTGATGAGGGAGATGATGTGAGTGTACGTACAGTTGGCCTCCTCTTGTGTTGTTTGG
AGCTGCACACCATGCTTTTGGTAAGGAAGGAAG

>trans_s_10659FJ872096|Limonium sinense tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K
(matK) gene, complete cds; chloroplast

TCGCACTGCAGTTAGAACTGTTAGATTCTTTTCATGACAGATTCCTTCACATCCGACCTCCCAGACCTATCCT
TATCAGCATACACTTCTTCCAAGTCATTTGTA

>trans_s_10660XM_002326166|Populus trichocarpa s-adenosylmethionine synthetase 6
(AdoMet6), mRNA

GATGTGGGATGGCTATGGACCGCTCTACTCTTCTGTAGGTGGATTATCCAAGACATGTATTTGTGTTAGAAC
ATGGATGCCACTCAAATGGATTTGCTTAGATATC

>trans_s_10661GU257978|Anemone quinquefolia 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTGAAAAATATGGCACATACCTGGGAGCCTAGCAGCCTGTGAGTCCTGTGGCCACACACAAGTATCGCATTTTC
GCTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATAA

>trans_s_10662Novel Gene

GCTGTTACATCTGATCTGACTGCCCTTATGTCTTGCTCGCCTACCTTTTACTTGGGCTAAGGAAATTCCCGAGG
GGGAAATTCCGCCGGGGGAAAGGACCAGAAAA

>trans_s_10663NM_179738|Arabidopsis thaliana ATP-dependent protease La (LON) domain-
containing protein (AT2G25740) mRNA, complete cds

TCTCTAAGTCGAGAAGAGTTTCGAAAGTTTCAGAAATTGTGTGCTCTCTGAGGTAAAAAACCCTGCTTATCT
GACTCTCAGCCTCGCCTCCTCAAACCTGCAACCT

>trans_s_10664XM_002863351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-
containing protein, mRNA

AGAGGCAGGGGATTATGATGGGATTATGTATGTTTTGCAAGAAATGAAGTCTATTGAGATGCAGCCTAATCTT
GTTGTGTATAACACTTTGTTGGATGCAATGGGGA

>trans_s_10665NM_001065337|Oryza sativa Japonica Group Os07g0124000 (Os07g0124000)
mRNA, complete cds

TTCCACCCCAAATGTTTTTGAAGTAAAAATGACAAAACTAAACACAAACAAACAACACTGCCATTACCATT
ACCATTACCTTCCTTCTACATCTATCACACCTA

>trans_s_10666AY308478|Artemisia tridentata subsp. spiciformis chrysanthemyl diphosphate
synthase (FDS-5) mRNA, complete cds

AGAAACAGTAGAAGAGGAGGCAGAGTCAAAGAGTAGACATTATCATGGTTGGGATCACCCAATGTTTGATGA
TAGAAGTAAAATTCACAATGACTTGGAAGATGATT

>trans_s_10667Novel Gene

AGGGGAGGCAGAACGGTTGGACCACAATCTTGATTCATGGGATGAACATGCTCTTTCATTTCTTCATCTTGA
GGAAGTATGATTTACTGTGACGTTTGTTCCTTTC

>trans_s_10668Novel Gene

CTTTACAAAATAAGTATAGGAAGAAAAACAAACAAACAACTAAGAAATCTTACATGATATCAAACAAA
ACCCAAAACCTCTTAAGAAGAACTAATGGAACCT

>trans_s_10669X01676|Pisum sativum chloroplast genes for tRNA-Glu(UUC), tRNA-Tyr(GUA) and
tRNA-Asp(GUC)

TGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCTGGCGGGACTGACGGGACTCGAACCCGCAGCTCCGCCTTGACAGGG
CGGTGCTCTGACCAATTGAACTACAATCCCAGGGA

>trans_s_10670Novel Gene

GAGAAAGCACCTCTAAGACGTTGCCCTCTGCTCCAGATGCTGATAAGTATGACGATTCAGACATGGTTGCATC
AGGAAGGAAAAGAAAACCTGGACTCTTAGTGACTA

>trans_s_10671S83742|U6 small nuclear RNA {coding region} [potatoes, Genomic, 102 nt]

ATATCCGTTGCCGAGAGTCTTTCTCGATTTGTGCGTGTGCATCCTTGCGCAGGGGCCATGCTAATCTTCTCTGTAT
CGTTCCAATTTTATCGGATGTCCCCGAAGGGA

>trans_s_10672NM_001084436|Arabidopsis thaliana importin beta-2 subunit family protein
(AT2G16960) mRNA, complete cds

TGGATGTCTGAGACTCCGGCCTCCAAATGAACCTAGTTTCTTCTGCTGACACATCTCAGCAAAGTAGTGGCGAT
ATATCTAATGCCCAAATCTCCCCAATCCATA

>trans_s_10673Novel Gene

TGCTGATATTATCAAACATAAGCTATGACCCAGTAAGTATCGTAATGATATGGAAGAGATAAGTAACGTCCA
ACCAATAAGCAGTCGTGCCCAAATCGAATGCTAC

>trans_s_10674EU002535|Quercus nigra RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, complete
cds; chloroplast

GCGGAAAGGAGTTGTGGATACTGCTGTACGAACATCGGATGCTGGATATCTTACACGTAGACTTGTTGAGAC
GACCTGGTGTGCACAACACATGAGAACGCTACTGT

>trans_s_10675XM_002876694|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AGAAGGGGTGCCTCCTCACAATAGGCAATAATGAGGTCACTATCCCGACGGGCAGCATAAGAGGAATCGACA
GTGCCAGCTTGTTGGAGGATCTGATGGGTCTCTAGG

>trans_s_10676AB012932|Vigna radiata VCAX1 mRNA for Ca²⁺/H⁺ exchanger, complete cds

CAAAATTGCACTATTTGTGATTCCATTGTGTGTGATAGTAGCTTGGACAATGGGAGTGGACATGGACCTAAATT
TCAACATAATGGAAACAGGGTCACTTGGACTAGC

>trans_s_10677NM_179491|Arabidopsis thaliana CAT2 (CATIONIC AMINO ACID TRANSPORTER 2);
amino acid transmembrane transporter (CAT2) mRNA, complete cds

CCTCTGGGTAATTTAGCTTCCTTCCTTACCCCGATCATTGCCACCAAACAATAAGGCCAAATTTGGGGATATTCC
ACGCGCAACAGCTGAGCCACCAAGTGTATATT

>trans_s_10678EU754647|Symphyotrichum boreale isolate 656-5-S-bo myo-inositol 1-phosphate
synthase (MIPS) gene, partial cds

AATGACTACCAAAAACCCATAAGTGAATTAACAATCCATATCCACGAAAAGAAGATCATAAGTTTCGAGAA
ATAAAACCCCCACATATACTATGGACGGGGGGCC

>trans_s_10679Novel Gene

CGGAGGCATTGCGAACCGGAGGAGTGTCTTCAGAGAAATCCGACTTTCAAATTCTTCTGTCTTCATCCTCTT
CGTGGTGTGAACGCGGGGGGAGGCGGGTGGAGG

>trans_s_10680XM_002950374|Volvox carteri f. nagariensis trypsin family (degO), mRNA

ACCGATAGAATTTGTTTCTAATTCATGCTCTGCTGCAGCTAAACACCATAACGGAAAGAAGTGAGATGCACA
ATTCCTGATAAGATTTTGTGGAATGTAGCGGAA

>trans_s_10681AL161494|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 6

TCAGCAAACGAGCGTGGAAAAACATGATCTCACTGTTCAATGCAAAGTTCAGATTTGAGTATGAAAAGGATGT
TTTAAAGAATCGGCATAAAACACTTCGATTAAAC

>trans_s_10682NM_001063932|Oryza sativa Japonica Group Os06g0283400 (Os06g0283400)
mRNA, complete cds

CGGTCTTTGTTTGCCGGAGACACCGAGAGGATCCATACTTTGAGTGGATTCATTGGCCACAAGCATCAATCCC
ATTTTCAGATGTACTCGAGTTGTATATTGAAAAT

>trans_s_10683NM_001084177|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding
(AT1G32810) mRNA, complete cds

CATACCGATTGAGGAAAGAGTTCATGTTTCATGGGGTTCAGGTGGTGACCCTGCTTTATTTAACGGGTTGTGC
TCCTTATATACTCCACAGTTGTGGAATTGCACTG

>trans_s_10684BT020363|Arabidopsis thaliana At5g13100 gene, complete cds

TCTACGCCTTTGAGATCTGTTGTGTTTCGTCTCTCGCATGGTGGTGAGGTGTCTTCTGATGGAACTGTTTGTTT
ACGGCTTCTCATAAGGCTATGAATATGGCGCG

>trans_s_10685Novel Gene

GGACGATGCAACTCAAAGAAAGCTCCAACTCTATCTAGTGAAGGTGGGTCTTTCCGAGTCTTTTTCTTTTCG
TCTCTGACTTCTGAGGAGTAGCTTGGACTCAGC

>trans_s_10686XM_002314048|Populus trichocarpa white-brown-complex ABC transporter family,
mRNA

CCTCTAAGAGTTTGAATCACAAAGAAAGCCGAAGCACTATCAAGACCACTGGTGGGTTCATCAAGAAAAAGC
AAACGAGGGCGTGTAAGGATTCAACTGCAACACT

>trans_s_10687Novel Gene

CTGATGGCCTCAAAGTCGAATTTGAAACCTTCTGCAAAGCAACCTAAGGTGATTACCGGCGTTAAAGCGACTG
ATGTGAGTGATCTAAAGTCCTTACCTTCACAAAC

>trans_s_10688NM_001056037|Oryza sativa Japonica Group Os03g0238800 (Os03g0238800)
mRNA, partial cds

AGTGCTTCATATGCAGCAATACTTTTCAGTTGCAGAAGTGATGTATGCCCTTCAGCAGGTGACCTCACTCTTA
CTACTCTTGCGCGTTCAACTGTCAAAGTGGGGC

>trans_s_10689AF104392|Cucumis sativus extensin-like protein (EXTL) mRNA, partial cds

GAAATGGAGTCGACATGAGAGGATGTCGAGTCAAATCTTTGTCTCTCTTTTATTTTTCGATTATTTTATTTT
ATTGTATGGATAATACCGACTACAACAAAACA

>trans_s_10690AY103796|Zea mays PCO132830 mRNA sequence

ACCACACCACACAAGCGAGTGTAACCTCACACAAATGAAGCAACCCACTCTCTTTGCATCAGGAATATCTCTT
ATAAGAATTACAATTGAATCCACAATAGCTTTT

>trans_s_10691NM_001055768|Oryza sativa Japonica Group Os03g0191400 (Os03g0191400)
mRNA, complete cds

AGAAGGCTCATGGCCTAGGTTGGGTGAGAGAACGGTACAGGGCTTCTTTGTAAATATCGCCTTGGCCGTAC
AGCAGCCTTTTACACAGAGACGTCTTCACCCGTTT

>trans_s_10692AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

CAGCAACCCAGTGGATGCTTCAAGGGCATTAGATGTGCTAAACTTCACCCCTTTGAATGGAAATCCTATTAGA
GTCATGTATTCTCATCGTGACCCTAGCGTGCGCA

>trans_s_10693AJ538734|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BC4-M43-005

GTAGTTGTCACTATTGGTGCCGGAGAGAACGGTCCGACCTCTGAAGTTACCACATCTGACGCATTGCAAGTAA
TTCAGGCAGCGGAGCTCGCCGGAGTAAGCCAACA

>trans_s_10694XM_002883920|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADP-malic enzyme 1 (ATNADP-
ME1), mRNA

AAGAAAACAAAAGGCTCTTTTACAACTTCTTATTGACAATGTGGAAGAACTGAGGAAGTGGTGAGCACAGA
AACACTGGTTGTCCTATGTGACTCTCATGCCTTCG

>trans_s_10695NM_114972|Arabidopsis thaliana DNA binding / nucleic acid binding / protein
binding / zinc ion binding (AT3G51120) mRNA, complete cds

AAAGCTGATGAGAGTAGGGAGCAATTACATGCTATTGCAGATGGATATGCTGCAATTGACGCTCAGAACATT
AACTTGATTTACTTGCAGCGTGATTTGATAATGA

>trans_s_10696GQ374439|Camellia sinensis cultivar Huangguanyin phosphoenolpyruvate
carboxylase (PEPC) mRNA, partial cds

GATGTCTGTCTTCTTGCTAGAATGATGGCTGCTAATCTTTACTACTCACAGATTGAGGATCTTATGTTTGAGTTG
TCTATGTGGCGTTGCAGTAATGAGCTTCGTG

>trans_s_10697EU189948|Medicago truncatula SINA4 mRNA, complete cds

GGACAGGAAGGAATTGAACTTAGAGTTACAGGAAGGATATGGAAGGAACAAAACCCAGATGCTGGAGTAT
GCATACCAAACTGTGTAGCTATCTCCCTCACCTG

>trans_s_10698XM_002867970|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata dehydration-responsive family
protein, mRNA

AAGACCGAGCTATGAAATTCCAAGGGAGAATATGATATACAGGGAAAGGCATTGTCCTGCAGTAGATGAAA
AGTTGCACTGCCTCATTCCAGCACCCAAAGGTTT

>trans_s_10699NM_103283|Arabidopsis thaliana VQ motif-containing protein (AT1G35830) mRNA,
complete cds

TGAATTAGGGGTTATTAGTCCAGCAGGAAGAGAATGTAATCGTGATTTGCTGGAGAGTCTCATGGCGAGTAC
TGGGATGGTAATATATCTGCAATGAATTGGTACT

>trans_s_10700XM_002324058|Populus trichocarpa glycosyltransferase, mRNA

GAACATCCCAGTGCTTGAAGCTGTAGAAAACCAGAACGGGATAAGGAGTTACTACCATGGGAATCACGCCAC
CAACATAGGTTCTGGCAGCCACCACAACATTAGT

>trans_s_10701Novel Gene

TTCTGAGAGTCTTGGAGTAAGGACCTCTAAAATGAGGCTGAAGTGAGGGTGAGAAGAATATTATTATTATAA
ACCCATCTATCCTATTAGATCAATGATGCATATT

>trans_s_10702CP000600|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 20, complete sequence

TTTTCTACACCATAGACACAGATTCCGACGGCAAAGTTTCCCCTCACGATCTCTTCACCCGCCTCCCTGCTCTCA
CTGGGCTGGATCTGACTAGACTGGAGACCGC

>trans_s_10703NM_001048278|Oryza sativa Japonica Group Os01g0101600 (Os01g0101600)
mRNA, complete cds

CGCATCATAGAGTAACCTGTTGGTGATACAGATACAAGAAAGCACAACCTTTCATACCTAGGTGAATTTAACTT
ATAATCCGAACTCTTTTGGATAGTAGACAGGGA

>trans_s_10704NM_001053680|Oryza sativa Japonica Group Os02g0558500 (Os02g0558500)
mRNA, complete cds

AATGAAGAGAAAGAGCCAGAGCTTGCACTTGAAGGTTATCTTGGATGAGAAGAAGGGATCTCAATTCCTGAG
TCGAGCTGCGCGTCTTAACGAAGCCTTTTCGGTT

>trans_s_10705AB001916|Oryza sativa gene for NADH-dependent glutamate synthase

TGGATCCCAACGGCGAGAGGGCCGCCTGTTTAAAGAACTCGTGTGGAAGAGCAAGAAGAATTCCAGCTCCAT
CACCAGTATTTGTTTACAACCGCAAGCACCTCT

>trans_s_10706NM_001125308|Arabidopsis thaliana ATRAB8A; GTP binding (ATRA8A) mRNA,
complete cds

TGGGCTCCTGACCAGCAGTATCCCAAATTTGCAATTTAATTCGTTTTCCATCAAGCTCAATGGTCCTAATCTTGA
AATCAATGCCTATGGTTGTGATGAACTAGT

>trans_s_10707XM_002888329|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase subunit 3,
mRNA

AATTATTTCTGCTTATCCTAATTGTCGGTTTAGTTTATGCATGGCGAAAAGGAGCATTGGAATGGTCTTAGTT
TTTTCCGCGAGTCTGTCTCTCGTCTATCATTT

>trans_s_10708EF415837|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 020BT23M21-595.5 mRNA
sequence

GGATGTTTCAGAGCGCACCGCCTGTTGAGCCTTTGATCCCAGTTGGGGAATCTGGAGTTGAACCTGTAGACCCA
GTCATACAATCAGCTGATCCGTTTGATACTGAT

>trans_s_10709EU016365|Vitis vinifera neutral invertase (NIN1) mRNA, complete cds

GTGGCTGAGCATCAGCTGGGTCATTAGCAGCAACAGTTCCAACAGGATGTCCACAATAGAACACAACAGAGT
TTCGAAGCAAGTCCCATGCCTCCTTTTCAATCTT

>trans_s_10710AY438613|Spathanthus unilateralis NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene,
partial cds; chloroplast

AAGCTGCAGAGTCTAAGCCCCTTGTAGGTTTGAATAAAGTAACATGGGAATCTCCGAAGACTAATGGGAATTC
CAGCAGTAACAGCAAATTGTTGGATAATGTTCT

>trans_s_10711AF546189|Contiguous genomic DNA sequence comprising the 19-kDa-zein gene
family from Zea mays, complete sequence

GAAATGCCCACTACTCCAGCACACAAAAGAAGCATGGGAGTGGCACAATCCATCTCAACAAACTCGGTTTGAA
ACCCTTCTTAAAGGCTTTTCCGGCCATCCATCT

>trans_s_10712XM_002322091|Populus trichocarpa autoinhibited H⁺ ATPase, mRNA

TCATGGCTCGTCTTGCTCCCAAAGCCAAGGTTCTTAGAGATGGAAGGTGGAGCGAGCAAGATGCTTCCATTTT
AGGGAAGGGGGACGTAGCTGACACCGGTGAACC

>trans_s_10713XM_002882462|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1974, mRNA

GAAGTTGTTAGAGGGCTTTCAAGGATTATGGAGAACTACGGGCATTTGATCATGGACAGATTGTCTGTTCTAA
AACAGATACCTGATGGTACGTTGCAGCAGCCAA

>trans_s_10714EU670744|Salvia miltiorrhiza 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase mRNA,
complete cds

GCAATGGGAGGAGGCACAGGCTTAAATCTCTTCAAAGACGTTTTCCAACAAGATGCTTTGATGTTGGCATAG
CTGCTGTATGCATGTGGCACGGTGTACGACACA

>trans_s_10715HQ288419|Populus ussuriensis cellulose synthase-like (CesA7) mRNA, partial
sequence

AAGCAAGATAAACCCATACAGAATGATAATTGTAATTCGTATTGTCATCCTTGCCTCTTTTCCACTATCGTAT
TCTTCATCCTGTCCATGAGGCTTATGGGCTG

>trans_s_10716CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

ACGGCAGCCACGTCTTCTTGAAGCCCTCCGCAAATGTGAATGCTTTGAACGGCCTGACTCCGCAACCTCCTGCC
GCTCATGCGCAATTCACCCCCTTCGAACATCT

>trans_s_10717FJ212173|Cicer arietinum zinc finger protein ZF3 gene, complete cds

CAGCAGAGTCCGAGAAGATCGAATTCGCCTGAGTCGTATGATGAATCTCCTCTTCGGCAGTCTGTGGATGGAC
CCTGTTCTAAATCGATGCCGTTTATGTCCTCTC

>trans_s_10718CP001329|Micromonas sp. RCC299 chromosome 9, complete sequence

GAGATGCAGATCCTCAAGGAGTCGGAAGATTGATTATGGAGGAGGTAGTACCGGTGCTAGTGCTGTACGGG
AACAGACTGATGCAACGGGAGGTCTGGGCGCGATCC

>trans_s_10719XM_002300518|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA904), mRNA

CGTGTTTTATATATTGACATAGATGTGCATCATGGTGATGGGGTAGAGGAAGCATTTTATTTCACTGACAGGG
TGATGACCGTTAGTTTTTACAAGTATGGGGACT

>trans_s_10720EU780457|Limonium gmelinii Na⁺/H⁺ antiporter protein (NHX1) mRNA, complete
cds

ATTGGAGCTATATTTGCCGCAACAGATTCTGTATGCACGTTGCAGATATTAACCAGGATGAAACCCCTCTACT
TTACAGTCTAGTATTTGGGGAGGGTGTAGTGA

>trans_s_10721CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

TCTTCCCCCTCTCAGATGGCTTTGCATCTACCCGGATCATGGAGAAAAGTGGTTCCTCGACCTCAGCAAGAATA
AGCATCGGCTTTACCCGATAGAACTCGCCCGC

>trans_s_10722Novel Gene

TCTCCTCACTTCATCAGATCTGAGAACCCAAAAGCCATATCTCCACCATTAAAAAGCTCATCTTCATCTGTCCTT
CAAATTTCTCTCTCTTTTCACAAAACCTTT

>trans_s_10723GQ470510|Ancistrocladus tectorius isolate 6678 trnK gene, partial sequence; and
maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GATCCCCCGTGCCTCGGGTGAAGTATCAACCAATTTACCCTGGGGAAAGTATTGTTGACTCGACCAATGGTAT
GAATTCAAAAAGGTATGAACTTAATGGAACAGA

>trans_s_10724NM_001066643|Oryza sativa Japonica Group Os07g0582400 (Os07g0582400)
mRNA, complete cds

CTGAGGTGTTTCTTAACCTTTGGTATCTTGCTCGGATACATTTGAATTACGCTTTCTCCAAGCTTCCGATTGAGC
CGAGATGGAGATTTATGCTCGGAATCGGGCC

>trans_s_10725Novel Gene

CAAAGTTGATACTCCACGCGTACAAGTCATCTAGCAAGTAAAGAATTGAAGTTTGGACAAGGGTATAAATCAT
CAGCTTCCAGGTTGAACCGACAGCCAGCTGTT

>trans_s_10726AF412083|Arabidopsis thaliana AT4g35240/F23E12_200 mRNA, complete cds

AATGAACTAATTCATGGATTAACCAGGATGTGGAGGTGTATGCTTGATTGCCATCGTGCCAGTACCAAGCGA
TCAGTGAATCAAAAAGAAATCCAAACCGGTTTA

>trans_s_10727XM_002867907|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 3
(ERD3), mRNA

ATTGCTTCAACAAGATCGCTGTTGATGCTTACCCGCCTAAGTGCGACGACAGCCTTGAACCAGATTCAGCATG
GTACAGTCCATTGCGCAGTTGTGTCATTGCTCC

>trans_s_10728Novel Gene

ATAAAAGCAATTTGGATGATCTTCAAAGTAAAAAGAAACAGTTGCTGCTGATGTGCTTGCTGGCATAAGTGG
TTCAATATCTTCAGAGGCCCTGAGTTCTTGCAT

>trans_s_10729NM_105584|Arabidopsis thaliana squamosa promoter-binding protein-like 6 (SPL6)
(AT1G69170) mRNA, complete cds

GGTTCATTCAAAGACTGCCAAAGTTATTGTGAATGGCATAGAACAGAGGTTTTGTCAGCAATGCAGCAGGTTT
CATTTGCTTGTTGAATTTGATGATGGTAAACGC

>trans_s_10730EU122163|Cucumis sativus cyclin D3-1 (CycD3-1) mRNA, complete cds

ATATAGTTTGTAGATAAGGATTGTTCTTGTAGATGAATATGGAAACAGAGTTAACTAAGGTTCTGTGCGGCAA
TTGGGGAGCCACCACAAACCCAAACTGGAAAAA

>trans_s_10731Novel Gene

ATCTAGTGGGAGGTTCCGGTCCATAGTGCTCATATTCTATGGGTGTAAGGTGTCTGTCATGCCATGGCAATAG
CATTGAGAACGAGGAATTTTATAATCATCGCA

>trans_s_10732AB112671|Cucumis sativus CsARF1 mRNA for auxin response factor 1, complete cds

CACACTCACAACCACAGACAACCAGTGGTCAGAAGGTGTCGTTTTGGTTGGCCGCGGTAAATATGTCTGAAT
GTCCACGAATTATCATGCAAATCTCTAGCCACT

>trans_s_10733Novel Gene

CACGATGACGATTCAGACGGCGAGTCATCCGAACCTTCTTCAATGCCAAAGCTTTCTTCAACATTTGATTGACT
TTTCCTCATAATCCCATAAATGAACGACGGG

>trans_s_10734GQ997572|Nelumbo nucifera voucher FLAS:S.B. Davis 1076 cytochrome b6/f
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

TTCTGGATCCAGTTGGTTCGTTTGATTTGTGCTCGAGCCGGATGATGAAAAATTATCATGTCCTTGTTGGTAGT
AGCAAATATCCAAATGAGAACTTTGAAGGCCG

>trans_s_10735AL161497|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 9

TCCCTCCCCTCTTTCTCAAAGAATGAAAAGCAAAGAAAAGAAAAGAATGATCGAAGCCCTCAAGAAAAAATCA
GGACTTATCCCTTATTATTCGACTCCTTCTAAG

>trans_s_10736BT025733|Arabidopsis thaliana At3g02555 mRNA, complete cds

ACACAAAGGAGGAGGGTGTGCGAGGATGAAGTTCGGTCTAAAACCGGCAGCAGTTAGAGTAGAAGGATTTG
ATTGTCTTGTGCTAAGTTGTCGACTGACGAGACA

>trans_s_10737NM_120100|Arabidopsis thaliana BRI1 (BRASSINOSTEROID INSENSITIVE 1); kinase/ protein binding / protein heterodimerization/ protein homodimerization/ protein > (BRI1) mRNA, complete cds

TGGTTTTTCTGTTTCTCGGAAACCAGAGCAGTTTTTTATTTGAAGCTCTCACTTTCTCAGCTTTTCTGTACTTTTA
TGTTGTGCTGGGTTGTGTATATGCATGCTC

>trans_s_10738Novel Gene

TGGATGAGAATTTGAAAGAGAGGCGACGTGAAGAATTGGCTATGAGGTTGTTCCGAAGATTTGAACATTTTTT
GCTATGTTCTCAACAAAATCAGCAGGGAACTC

>trans_s_10739L01660|Medicago sativa NADH-glutamate synthase mRNA, complete cds

AAACAGACAATACTGGATTGGGGAAGTCTGCCTTGCTGACGGAACCTGTGATTGAGCAAGTGTTCCTTACCCC
AAGTACAAAATCCAAAGTTGACTTGGAGAAACA

>trans_s_10740AF215665|Brassica juncea S-adenosyl-L-methionine decarboxylase (SAMDC3) mRNA, complete cds

AGAAGAGATTGCAGACGGTAAAATAGCTAGTCATGATGCACAGTCCGAAAGGAACAGTAATAGTGTGTGTGC
TGCTGAGGGAAGTAACAACGGTGCATGCGGCAGG

>trans_s_10741FJ054176|Pinus taeda isolate 1640 anonymous locus 0_14135_01 genomic sequence

AACCCAGATGCATGTAAACGCAACTATGCCATCTTCATTTCTTATTTCATTGTGCATAGCTGCTCTGAAAACTT
GGAAACATTGATTGAGGTTGCACGTGTTGTT

>trans_s_10742NM_001160984|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G67580) mRNA, complete cds

CTCTTCCTTTACCTTCATCGCCAGGAGTGTTGTTCCAGCAGCCCATCTAGAGGATGAAATGTTTCTTGTGGG
AGCATAATCATCGTCCCCAAAATTTTCTGCTT

>trans_s_10743L46848|Glycine max acidic ribosomal protein P0 mRNA, complete cds

AGGTTGGATCTTCTGAGGCTGCTCTCCTTGCCAAGCTAGGAATCAGGCCATTCTCGTATGGTCTTGTTGCCTC
TCTGTTTATGACAATGGATCAGTCTTTAGCCC

>trans_s_10744XM_002325056|Populus trichocarpa receptor-like kinase binding protein, mRNA

CAAGCCTGAGTTCACTTGTTCCCGAATCTCTCCACTCGGAGCATCGTTTCGATCCCTTAGCTGTCTCTCCAAAGG
AAGTTACTTTGACTTGAGGGTCTCTCACGCA

>trans_s_10745GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

GAAGGAACAGGAGGAGACTATTTCTGAAGCTCAGGAATGCAATGGGGAAAGTGATCCGGAGGACGCCTTCT
GGATGCCTCCAGTAGGGCAACACCAAAGCGGCAGT

>trans_s_10746XM_002302703|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA

AGCAAGTATTTACAGCACGTTTCTGGTCTGATGAGAGATTTTTCGGCACATTTGCTGGAAGAAAGCCCTGTTA
CTTCAACACCGGCACCGCAACTGCGAGTAACC

>trans_s_10747XM_003083023|Ostreococcus tauri serine hydroxymet (ISS) (Ot14g02820) mRNA,
complete cds

TTTTTTTATCTATGACGTCTCTAGAAAATGGTATCAGTCTGGTAACCATGAGAGAGATGTCCACCATGAGGAA
GATCAAGTGCTAAATGATGGTGTGCAATATCGG

>trans_s_10748NM_001066455|Oryza sativa Japonica Group Os07g0546100 (Os07g0546100)
mRNA, complete cds

TATGTGAACTTAGTTCAGCTGGCTCTGAGAGTGGGAAGGATGGAATTGAGCGTCCAAAATTGAATCTGAAG
CCTCGGTCTCAACCCATTGAACAATCGGAAGGAA

>trans_s_10749XM_003080024|Ostreococcus tauri pentatricopeptide (ISS) (Ot06g04590) mRNA,
complete cds

AAGCCTGACGGAGCAATGCTCTGTTCCCATTTGACTCGTTCCCTTGAAGCACGCGATCGATGTGGCAGGGGG
ACACCGAGAGAAAGGGTAGGGAACCCGAGGCGC

>trans_s_10750NM_001053013|Oryza sativa Japonica Group Os02g0259100 (Os02g0259100)
mRNA, complete cds

TGGCGAGCGTTCTTCTCACTTTTGCCCTTCTGGAATGGAAAGAATGAGTATTTGGGAGACCCTTTGTTATATA
TTGTACAAGAATTGGTATTTGTTATTGAAAAA

>trans_s_10751NM_001064345|Oryza sativa Japonica Group Os06g0543200 (Os06g0543200)
mRNA, complete cds

AAGAAGTAATCCCATTACGGCTCCTGCAGTTTTGGCTTTAGACTGCTCCTGGTGCTCATGCTGTTGTATAGGGT
CTGTATCACAATATGATTTTGAATGCTGTTTC

>trans_s_10752NM_001057728|Oryza sativa Japonica Group Os03g0736400 (Os03g0736400)
mRNA, complete cds

GTCCGACCAAACCTCCGGTCAGTAATCTTAGTAAGGCATCCACAAGAATCCAGCATGTACTGAGGGTTACCTA
TAACAACCACAATGAAGGTATCTTCTCCAATA

>trans_s_10753AY372539|Cucumis sativus signal recognition particle receptor protein mRNA,
partial cds

AGTCAATGGAGTTGGAAAATCAACTAATCTTGCCAAGGTGGCCTATTGGCTTCTGCAGCATAAAGTTAGCGTC
ATAGCAATCATCCACAGCGTGCCCGAGCTCAGA

>trans_s_10754AY106264|Zea mays PCO124599 mRNA sequence

ATGCGATGCCCATGCTTCAAAGGGCAGCAGAGTTATCTGCACACACAGCAGGTATTGATGACGAAATGACTG
AATATACAATAAGAACTCTTTGCCCTAAACCT

>trans_s_10755AF260733|Cucurbita pepo chloroplast NADP-dependent glyceraldehyde 3-phosphate dehydrogenase A subunit (GapA) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

AAAGCGCTGAGAAGGAGCTCAACGGTATCCTCTCTGTTTGTGATGAGCCCCTGTTTCAGTCGATTTCAGTGTA
GATCGTGAGAGAGTCTCACTCTGAGAAGAGA

>trans_s_10756AY019616|Oryza sativa microsatellite MRG1941 containing (AT)X39, closest to marker G232, genomic sequence

ATATGTAAATGATATGATATCTATATATAAATAGAAAGATATATATTGCGCGCCTGCTCGCGCCTGGGCCAGCT
AGCGCCTGGTTCTCGCTTTGCGAGAGAGTGTA

>trans_s_10757Novel Gene

TCAACCATTTCACAAACCCCTTCAACTCAATTCAACGATCAGACTTCATATCTATACCCAGAACTCCAAAACA
GTTTCGTATTCAATGGCCCATCTCTAAATCT

>trans_s_10758NM_001125947|Arabidopsis thaliana CPuORF14 (Conserved peptide upstream open reading frame 14) (CPuORF14) mRNA, complete cds

GGTGCCGAGAGGTGGTTCTATGACTTCTTACAAGTATGCTCTTCTGTTGTACCTGTTGTCTCTGTTTGGGATT
GCATTGTCAGGAAAATGAGGTATTCCTACAGA

>trans_s_10759NM_001065542|Oryza sativa Japonica Group Os07g0173700 (Os07g0173700) mRNA, complete cds

AGGCTGTGTAGTCAACATTCAGAGTCTGCCCCAGTAGTGCCTTAGACCTCGGTGGTTCCTAATCTTCTTCAACC
GCTCCAAATCATCTCTCAACTTCATGTCCAAT

>trans_s_10760DQ629321|Stangeria eriopus large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AGTGGGACTATTCCAATAATTTTCATATCTTCCGTGCTGCTTGGGATTTGTTTCTGCCTTATCTTCTTAAGTTGGT
TTTGGGGCCTGCTGGACCGCTCCCCAACCC

>trans_s_10761EU915685|Coffea arabica bax inhibitor 1-like protein (BI1) mRNA, partial cds

ATTCTTCAACATCAGTAGAATGCGTCGAGCAAGGCAATCCAATAAGTCTACAAATAGTACCAAGGAATGAATA
CATCATCATGGCTGAATAGGTGGTCAGCCTTAT

>trans_s_10762XM_002331881|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

TAACATGGCACTTCTTGAGTTGAGGGCTTCTCGAGTCTACCAAAGAATTGTCTCTCCCTATGTTATGGGTTCTT
CGCAGCAGCCATTGTGCCGGTAAACGCGGAA

>trans_s_10763NM_001187050|Oryza sativa Japonica Group Os04g0474300 (Os04g0474300) mRNA, complete cds

ACCACGTTTATCAGGTGTTGCATACCCATATGCGGCAAAGATATATTGCTCGTTAAAAGTGATCCAATGTTTCA
CTCTATCTCCAACTCTTTGAAGCAAAGTTCA

>trans_s_10764NM_116461|Arabidopsis thaliana SUS3 (sucrose synthase 3); UDP-glycosyltransferase/ sucrose synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (SUS3) mRNA, complete cds

AGGTTAATACCTGATGCAAAAGGAACTACATGTAACCAGCATCTGGAAAAAGTCGTTGGAACCGAGCATTAC
ACATTTTGC GTGTTCTTTTAGGTCAGAGAATC

>trans_s_10765FN421410|Potentilla articulata partial external transcribed spacer and partial 18S rRNA gene, specimen voucher GB:KGB324

ATAGTCAAGGTCGTGTATAATTATGGATGCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGTACGGT
AACGGCATGTGTAAGTATGGTGATTAAGTCAC

>trans_s_10766BT011963|Arabidopsis thaliana At3g53940 mRNA sequence

GGCGAGCTCGAGTGTACACAACAGGTCTTGTCTGGTGTATTCAGACACATATTGAGGACAGAAGGCTTCCGTG
GTTTCTATCTCTTTCGGGGTAAAAGGCGTCGGCC

>trans_s_10767XM_002315300|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC040), mRNA

CAAGCATACTGAAATTCATCCAAGATTTGCAACATGAGATCCACAAGACTTCTATGGAGAGAGAGACACTGAA
GTTTCGAGCTGTTGAGTGCTCGAGCCATGATTAC

>trans_s_10768EF595927|Cucumis hirsutus isolate 2007-B20 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence; chloroplast

TGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATACACGCCTCATTTGTGTATCTGTCCGAATGAAACCAAAGTTTCACGTTTCG
GTTTTGAAAATCCTGTGGGTGTTGTGGGTGG

>trans_s_10769XM_002870062|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase family protein, mRNA

CATAAACAAATGATCGAGCTAAATCAAGGGCTTGACGCTGTGAAGAAGCGTGAGGGTCAGCTATGGCAACAA
CGGCGACACCTTTATCTTGAAGGTGGAAGAGATT

>trans_s_10770AB476298|Oryza sativa Japonica Group NYC3 mRNA for alpha/beta hydrolase-fold family protein, complete cds

TGAGGCTCCATATTATGAAATTAGCCCTGCTGGCCACTGCCCTCATGATGAAGTCCCTGAGGTTGTAACTTTT
TACTACGAGGGTGGATAAGAAACATGGAGTGT

>trans_s_10771XM_002870211|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SET domain-containing protein, mRNA

GCAGCAATAAATGATGTCTTAGATCCATGGATAAATGCAAAACAACCAAAGAAGGAGATGGAGAAGACCATG
CACTGGAAATCAGATGGTAGTGACACATCATCG

>trans_s_10772AJ235608|Spiraea betulifolia chloroplast atpB gene

CAGAAACAATTAGAGGGTTTAAATTAATCCTTTCCGGAGATAATCTACCAGAAGGGCTTGTCGGAAAATAAA
CCATCCATTGTAGCTACTTCGATGACGCTTCCG

>trans_s_10773AB489998|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitINO mRNA for myo-inositol-1
phosphate synthase, complete cds

GCTGTGGACTGCCAACACAGAGAGGTATAGTAATGTGATTGTGGGGCTAAATGACACAATGGAAAATCTTCT
GGCTTCTGTGGACAAAAACGAGTCGGAAATAAGA

>trans_s_10774CP000588|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 8, complete sequence

GAGGAATTTACCATAACTTCATCAGGAGTATTCCCAATCAGTTGAGAAACACAGTGAGAGGAAATGGGGAGC
CATGATCATTCTAAAGTCTCTACAGTTATTGCC

>trans_s_10775AP009366|Aethionema cordifolium chloroplast DNA, complete sequence

CTTCATGGTGCATTGCGATTGTGTCCATTTTTGTTTCCGAAGTAACTCTAATCAACTAGCACTATTTTGATGTG
AACCTTTAGTTGGACAGATTCATCACGGGTC

>trans_s_10776Novel Gene

TGAACTACAGCAGCTTCCATTTTAGAAGACCTCTCTTTACAGGATGATACTTAGGAACAACGACCCTGTCATG
CTCTGATAAATCTTGTCTATGTCCCTCAGTTC

>trans_s_10777AB263748|Ipomoea trifida DNA, self-incompatibility (S-) locus region, haplotype:S1

CCTTGGGCCGATCGTATTCAGTTCCACCGTCTCAATATCAAGAATGATTCCAGGCTTGAGAGCCTCATCCGAAT
GGCAGATCTGACGCGCCGCTCCATCATAGAGA

>trans_s_10778AB238681|Arabidopsis thaliana CMS1 mRNA for CGS1 mRNA stability 1, complete
cds

AGTGATTGGAGTTGTTTTGTGAGTCATCGGTTGTGAGTAGTAAACCAGAAGATGGAAGAGAAATCTGTTACAA
AGGAGTCTCAAACCGGTACTCTAAAGCTGCAA

>trans_s_10779NM_001056010|Oryza sativa Japonica Group Os03g0233800 (Os03g0233800)
mRNA, complete cds

TGGGTGTGGTGAAAAAGAACATTTTCCTTGACAACTGTTGCCATTGCTCGAAATGATGATTTTCTGGAAATCAA
AGGAGAAAGAGGACTCTTGCGCTAAGTCGTCT

>trans_s_10780NM_001060634|Oryza sativa Japonica Group Os04g0652500 (Os04g0652500)
mRNA, complete cds

CAAGCTTGAGACTGAAAATGCCTATCTTGCAAGAACCCTTGCTTCTGTACAATGGAATCTTGAGTTAGAGGGT
AACCGGGTTGCTGGACTTCGACAGCAGATTGAA

>trans_s_10781XM_002866195|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

GCAACCCTTGATCCAACCTACAAGGAGGGTTTCAGATGAAGAACGGGAATGAATTTCTACTTACGGATACTGTTG
GTTTCATCCAGAAGTTACCAACTATGCTGGTTG

>trans_s_10782Novel Gene

AGAGAAAGTCTCGTAGCTATACTTCTACCACAATGACAAGGCAACGCCCGTATGTTGTTTACCTAAGGAAAGAG
ATGAAGAAAGCTAGACATTCGAACTAAGCACCC

>trans_s_10783FJ362594|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L31 (RPL31C) mRNA, complete cds

CATCAAAGAGATAAGGAAGTTTGCCGAGAAAGCAATGGGAACAAAGGATGTCAGAGTGGACGTGAAACTGA
ACAAGCATATTTGGAGCAGAGGAGCCTAGGACAAA

>trans_s_10784EU642643|Leucadendron chamelaea ribulose-1,5-bisphosphate
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

GCGAGGTGGCATAAGCGAGAGGGACCAAGTTATACCTACTCCACCCGGAAGTCCCTTTTTATATATAGCGGTA
GGGATTCGCAAATCCTCCAGACGTAGAGCACGT

>trans_s_10785AL161577|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 73

GCAACAAAGTGATGGTAACGATGATTTTCTGTACCGCCTTCACAATATAATCCGCTTGATGAGCCTAGTCCTC
TTGGTTTACAACCAGAAGGAGATTTCTGAAC

>trans_s_10786GQ141127|Symplocos chinensis MADS-domain transcription factor (GLO1) mRNA,
partial cds

ATTGAGGTCTTTTCTTTATGAAAGCGAGATATATGTTCTCAAAAGATGCAAATTATTCCAATTCAGAAAACCTCA
TTCTCTTCCTTAGGGCCTGTTCTCTCCTGCTA

>trans_s_10787XM_002863257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ORF64c, mRNA

TCAGATTACAAATAGCCCCGCGGTGGAGGGGAGAAGGGGTGCCTCCTCACAAGGGGGTTCGCAGTGACCAC
CGGGCCCCGTGACAAAAGCTAGGACCGAGTCCTAC

>trans_s_10788X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

AGTTAGTGGCTACTAAGCTATTTCTTTGGAAAGCTCCTACTAAGATGAGAAATCTAAATCGCCCTGTCGATGCG
TTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGC

>trans_s_10789D37958|Malus x domestica atp9 gene for F0-ATPase subunit 9 (complete cds) and
nad5 gene for NADH dehydrogenase subunit 5 (exon a and b)

TGGGGCTTCTTGTTGATAGCCTGACCGTAGTGATGTTAATTGTGGTTACATTCATAAGTAGCTTGGTCCATCT
TTATTCCATTTTCATATATGGAAGAGGATGGCG

>trans_s_10790U89839|Lycopersicon esculentum ADP/ATP translocator mRNA, complete cds

GGACGCCTACGATTGCGATATGGAAGTAGTTTAAATGTCGTCATAGAATGCCATGTGTGAAATCTCAATATT
GTTTTCTGATAATGTATTTGAGAGGTATATACT

>trans_s_10791D14044|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for glycolate oxidase, complete cds

CGCAGCCACATCCTGGCTGACTGGGACACTCCTCGCATCGTGCCAAGGCTATGAGATATGCATTGCGTATGCA
ACAACACACCCACACCGGGTTACTGAGTGAATT

>trans_s_10792NM_001186919|Oryza sativa Japonica Group Os04g0298366 (Os04g0298366)
mRNA, partial cds

CGAAGAGGGGAAAGGTTCAAGCAAGTTCCTCTTTGAGTGGAGCTTCGTATCCGGCAGATTTTTGTGGTAT
TGAAATTGCGGTATTTCCCTTGCCTGTTCTC

>trans_s_10793NM_001049678|Oryza sativa Japonica Group Os01g0504500 (Os01g0504500)
mRNA, complete cds

CCTAAATGTGAGAAAACCTCGTGGAGTTATTTCTATGGAGCTGTTTCAAGGAATTCGAGACTTCTTAGCTTGGC
AGTTCCTTCTGCGGTGATGGTTGCCTTGAAT

>trans_s_10794Novel Gene

GCGCTAATTAAGTTTCTTTAGTTTGTGTGTACATAGTTACACTTTTTGGGCTCTCGGGATTTAGTTTGCTTTT
CTCCATGTATATGAATAGTTTATGAAATTC

>trans_s_10795NM_001069203|Oryza sativa Japonica Group Os09g0248300 (Os09g0248300)
mRNA, complete cds

GGAGAAGTTGCAAACCTGGATGGAAAGAAGAACTCAGATCTATTGGGTTACGTCGAACATGCATCATGTTG
ATGGTTACGTTAAGCATTGCTGAAAACACTACAA

>trans_s_10796X17211|Mung bean 25S rRNA - 18S rDNA spacer region

ACAAGTACGTCGACAACCTCGGCCACAGCCAGATCAAGAACATGGCAACCTTCATTGCATAGCATCTCAGAAG
CTGGAAGCTAATCATCAAACCTGAATACTAGA

>trans_s_10797GU320195|Nicotiana tabacum cultivar Turk ankyrin repeat-containing protein
mRNA, complete cds

TGAGGCTAAGTGCCTCAGATCCTTCTTGAAGCTGGAGTGAAGGTGGATGCACTGGATAAGAATAAGAATAC
TGCACTTCATTATGCAGCACCAATACCGTCTTTC

>trans_s_10798XM_003074052|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g00390) mRNA,
complete cds

AAAGAGAATTTGGGCTATGATGCTTGACCCGAAGCGCTCTATGTCGGATCGGAGGTGGTGGTGGCCCGCA
AAATGATACTGAAATAATTCAACAGAAATCAAAA

>trans_s_10799EU379346|Solanum lycopersicum thiamine biosynthesis protein ThiC (thiC) gene,
complete cds, alternatively spliced

CAGGGAAACACTGATTGAACAAGCTGAGCAGGGTGTAGATTATTTACCATTATGCTGGGGTCTTACTTCGA
TACATCCCTCTAACAGCAAAAAGAATGACAGGA

>trans_s_10800U89839|Lycopersicon esculentum ADP/ATP translocator mRNA, complete cds

GGACGCCTACGATTGCGATATGGAAGTAGTTTAAATGTCGTCATAGAATGCCATGTGTGAAATCTCAATATT
GTTTTCTGATGGCACATTTGAGAGGTATATACT

>trans_s_10801XM_001700880|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AATTTAGCATAGTAAAGATTCTTTTACTCTCGTGCAGCAAGCAAGCTACAGCTCTCCAGGGAGGATATAAAG
GAGATTTTATAGAGAGCACGAACGATCACCTCCG

>trans_s_10802NM_001185717|Oryza sativa Japonica Group Os01g0843700 (Os01g0843700)
mRNA, complete cds

AAAGCTCCCGCCGACGTCTTTTCAGCCTTCATCCACCACAGCTCCCACGACTCAGGGATGGAGTTTCAAGAAC
AGCGCAGAGGAGAGGAGTTGGGGGATCTTAGA

>trans_s_10803XM_002966346|Selaginella moellendorffii glucan synthase like 1 (Gsl1), mRNA

GCCTGTAGAAATAGAATTAACATAACCCATAGACGATCAAACTTCGAAACAAGTTCCAAAAGATCTCTGCT
CTACAAACCCAGTCTTGCCTACATGCCTACTCT

>trans_s_10804DQ629185|Coleochaete scutata large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

GAGGCTGCGGGCCGCTGAGTGGCGTAGGCAAATTGGCTTTGAAAGGTGACAGGATCCTGTAGGGTCTTCT
GTCCAGGTGCAGGTAGTCCGCATCTTCACAGACA

>trans_s_10805FJ941068|Oryza sativa Indica Group truncated BPH14-2 (Bph14-2) gene, complete
cds

TTAGACAAGAAGGTCTTGAGGTGCTTGGTTGGAGACCCGTGAAGTGTCCCTAGGAGTGTTGGTTGCGCCCGT
ACCTCCTCAACCATTCGGTGCCAGATGAAGGGC

>trans_s_10806AY114674|Arabidopsis thaliana PRL1-associated protein-like protein (At5g58720)
mRNA, complete cds

AAGAAGTGTTGAATCTGATCTCCCTCAAACATTGTTAGAACTTTATTCAACATTTGAGAAGTCCTGAATATG
AACCAAACACCATGAATTGGAGAAGTATGGTG

>trans_s_10807AY149966|Arabidopsis thaliana At2g17220/T23A1.8 mRNA, complete cds

GCACACATCAGACAAGCAAGTAATTTATAGAGATTTCAAGGCTTCTAATATTCTACTTGATGGGTATATACAG
CAAAGTTATCGGACTTTGGCTTGGCGACCGGT

>trans_s_10808NM_001066169|Oryza sativa Japonica Group Os07g0479300 (Os07g0479300)
mRNA, complete cds

TCCCTGTGTACATCAGTACCACAAGCACCAATTGCCAGTTCACATGGTGGTACCAACAAATTAATATGACGATG
TTGAGACTTCGTAATTATGCCCATGTCCAATG

>trans_s_10809NM_112415|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein (AT3G15470) mRNA,
complete cds

GAAGCACATGTATCAGTCAGACAGTTGAGTGCTCAAATGTTGAGCAGCAGAAGACTGAATCTGATGAGATTT
CGGTAGTGAAGTGTGATGAAGTAGTCTCTTCGTC

>trans_s_10810AL161497|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 9

GCACAGACTCTACGAAAGTTTAATCAACAAACCAATTACTTGGATCGCTTATTTTACATACCCTTTATCGCCAT
GGGTTGCTCCTCCTCTGTCCCAGACACCCGC

>trans_s_10811AF227963|Arachis hypogaea resveratrol synthase 3 and resveratrol synthase (RS3)
gene, complete cds, alternatively spliced

GAAGCAAGGTAACCGAGTTCCAAGTGTGAACAGCGACCAGGAGACGGAGCCAGAGAAGTTAAAGCGTTTC
TTGACGGGATAACTAAGGAGAATGCCATGAGAGTG

>trans_s_10812NM_123012|Arabidopsis thaliana serine-type peptidase (AT5G36210) mRNA,
complete cds

TGGAGGCTTTTCATCCCCACTAGAAATGGTAAATGGGATTGAATGGTGGATAAAAGTAGGCATAAGCCATTCA
CCCGTCACTTCTGTTGCAAATTCTATTAACCTT

>trans_s_10813NM_001071968|Oryza sativa Japonica Group Os10g0567800 (Os10g0567800)
mRNA, complete cds

AAACGTCTCCTCATATATAGGAATGGTATCAGACACTTTGAGGAATACTATCCCCAAAGCAGTGGTTTATTGCC
AAGTCAAGGAAGCCAAGCAATCGTTACTTAAT

>trans_s_10814AJ247588|Hoya sikkimensis cox1 gene (partial), exons 1-2

CGATAGAAGAGAGAAGCACCCCTGAAGTTTACATCCTCATTCTGCCTGGATTCCGGTATCATCAGTCATATCGTTT
CTACTTTTTCTTTAGAGATACGCGAGTTTTCG

>trans_s_10815NM_105954|Arabidopsis thaliana root hair defective 3 GTP-binding (RHD3) family
protein (AT1G72960) mRNA, complete cds

GAGGATGTACAGAAGATTTGGGACTCTGTTCCGAAGCCATCTGCCCACAAGGATACTCCACTAAGTGAATTTT
TTAATGTTGAAGTTGTTGCTTTATCCAGTTATG

>trans_s_10816Novel Gene

GGCCGAAGAGGGGAAAGGTTCCATGTGCCTTGTGCTGCTTATGATCTGCTGTCTCTTATCTAATTTCTATTCTG
TGAGAAGTTAAGAAAGGCATCCACTCTTTAGA

>trans_s_10817GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete
sequence

ATGCTGTGATCCGTATCTCAGAGTGGACCAGCAAGAACACTGGCTCGCCAGTGCATGGATACAAACCCACTT
GACCTCATCGTAGGTTTCGCTGGCGTCTAGTAAC

>trans_s_10818Novel Gene

GGTTTGTGTTAGAAGGGTTTGTGGGTTTGATGGAGCTTCTTTATGAACATGGTGGACGATTTGATTCTGTGAT
GATTAGCTGACTCTTCTTTTGGCGCTTTGGTGT

>trans_s_10819NM_001060001|Oryza sativa Japonica Group Os04g0545200 (Os04g0545200)
mRNA, complete cds

AGTTCCGCTTACTTCAAACACCTTCCACGACCCACTCAGTTCTGATGGATCAGTTCGCTTCCGTTGAGAAAATG
GTTTCAAATCAAACCTCCACGTCACCTTATGTCA

>trans_s_10820FJ231523|Cucumis melo hexokinase 2 mRNA, complete cds

CATGGAAGATTGGATTGGATATGCGTGTGGCGGCTTTGGTAAATGATACAATAGGCACACTAGCTGGGGG
CAGATACCACAACGATAATGTTATGTAGTAGTGT

>trans_s_10821XM_002329600|Populus trichocarpa nadph-cytochrome P450 oxydoreductase
(ATR2), mRNA

AGTTCCGTTGTCGCTTTGGCCGTATGCAGCCGGAATCCAGGTCGATGAAGGTCTCTCCGTTGGAGCTTATGTC
GGCAATATAGTCCTTTCCGATTTCTCCTGGCGC

>trans_s_10822XM_002879584|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPGP1, mRNA

CAGACCAACTTGAGGTGGAGGAAGCTGCTCGAGTCGCCAATGCTCATTCACTTCACTGACTGATGTTGAAGAAT
CTCGCTACAGTTGTGTGGCCTTTGTAAACACC

>trans_s_10823AY338488|Medicago truncatula cyclin T1 mRNA, complete cds

AGGCTGAGCAATTGATCTTGACAACTCTAACTTTGAACTCAACGTGCAACATCCCTATGCTCCTCTTATGTCTG
TTCTTGATAAGATAGGAGAAACACAGAGCTC

>trans_s_10824NM_001189903|Oryza sativa Japonica Group Os12g0197200 (Os12g0197200)
mRNA, partial cds

AAAGGGGTGTGATTGTGTTTTGGAAGTTTTTTTCATATATTTGTTGTGTTGTCATGCTATCCATTGCCAGTGCT
GTATTATAAAGTAATGTAAGGTTCTGTGAGG

>trans_s_10825DQ267933|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D-alpha (PLDa1) mRNA,
complete cds

TTGGTGCATCAATAACAAAAGGTGGACCGAGGGAACCTTGGCACGATATCCATTCCCGACTTGAAGGGCCCA
TTGCCTGGGATGTCTTGTTTCAAAAACCTCGTTTC

>trans_s_10826Novel Gene

GTGCGATGATTATAAAAAATTCCTCGAAGACTTACGATATGCCATGGCATGACAGACACCTTACACCCATAGAA
TATGAGCACTATTTGGGCTTTTCTTTGGATCT

>trans_s_10827DQ372969|Taihangia rupestris MADS-box protein SEP1 mRNA, partial cds

ACCCAACATTCTTATACATTCGGGGACCAAACCTTCCTCAGTTCACGACTTCTTGTTTTGAAACCTCGTCTTAC
GAAGTACATCGTAAGCCGACCCTCGTCGCGC

>trans_s_10828AM260507|Platanus acerifolia partial mRNA for oligouridylate binding protein (ouBP
gene)

TCCGAAACCAGCAGGAAGCTCAAAATGCAATAAATGATTAAACCGGTAAGTGGCTTGGGAGTAGACAGATTC
GTTGTAAGTGGGCTGCTAACTGTGACCCCACTT

>trans_s_10829NM_105548|Arabidopsis thaliana ATPPC4; phosphoenolpyruvate carboxylase
(ATPPC4) mRNA, complete cds

TGGTTCCTCTATTTGAAACTGTGGATGACTTGAGGAAAGCCGGATCATCGATCAGGAACTATTGTCTATTGAT
TGGTATCGAGAGCACATACGCCCTCCAACGCC

>trans_s_10830EU793994|Cucurbita maxima RBP50 mRNA, complete cds

CATCAAGAGCTAACTACAGCAGATCAGAATGCTCAAGGACGAGGAGATGAGCCAAATCGAATACTCTTAGTC
ACAATCCATCACATGCTATATCCCATCCCTGTGG

>trans_s_10831Novel Gene

CCCCAAGATAAGGATGCCTTGAGGCAAAGATCAGCGCTTTTGCTACTGAGAAAGCGAAGGGTCAGCGCGAAG
GTTCAAGACTTAGCCGAGCCAATATAAAATTCTG

>trans_s_10832L49150|Chlorosarcina brevispinosa chloroplast large subunit ribosomal RNA (rrnL)
gene

TATTGGGGGCTTTCGAGTGTGCCTTTGCGTTGCACTACTGCATTGGCCTGGCGCACCCCTCTATGGACCCGAA
CCTGGGTGATCTATCCATGACCAGGATGAAGC

>trans_s_10833Novel Gene

ATGTGATGGACCTGACCGTCAAGTGCATGATACTCACTAGTAAGTTAACCTGAATACAGAAACAAGAAGTAAG
CATCAAAGGGTTTGACAAAGCTCCATCGCCATT

>trans_s_10834Novel Gene

GTGAGGCAATAGCTTACCAAGGTATGGTATAGCAGCCTTCCGAGCGAGCCTCTGGGATCTCCTGTAAACCCC
CATGATGTGGTAAAGGGAGGATCGGCTTTTCCT

>trans_s_10835EF371902|Oryza sativa Indica Group catalase (CatA) mRNA, complete cds

GGCAAATGCGTCCACAAGGCGGCAATAGGCGGTGCGCGAGTCGTAGAGTGTAGTCAGACCCCAAGAATAGGC
GGCGAGTCGTAACGTCCAAACGTAACCTCACTTGGA

>trans_s_10836Novel Gene

TTTCCGCTTTTTTTACCAAAGTTTTTGAAAAAGATCAAACGCTACGGGGCTGATGAGTTCCTTTTCTCTGAACT
AAGAGCTTTAACCTCGCTTCTTCTCCACAC

>trans_s_10837XM_002867907|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 3
(ERD3), mRNA

TGATCCTTTGTGGGTTATGAATGTGGTTTCTTCTACGCTGCCAATACTCTTCTGTGGTCTATGATCGTGGTCT
TATTGGAACTTACTACCTGGTTGATCCTGCC

>trans_s_10838NM_001072130|Oryza sativa Japonica Group Os11g0118400 (Os11g0118400)
mRNA, complete cds

TGTAGCTTGCTGCCAGGGCCCTCTAGATGTCGCCCATGCGTTGCACTACAGCTTGGGCCTGGCGCACCCCTCC
GCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGA

>trans_s_10839AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

ATCTGACCAACGAGATGTTCTCAGAAACACCGAGAAGGTCTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCAATGGA
ACCGGCTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACT

>trans_s_10840GQ998845|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C ribosomal protein L22 (rpl22) gene, complete cds; chloroplast

AGGGCAGCAGTGTCTGGGATTAACCTCGAGCTAGAGGGCGAAGTTATCCATAAACGACCCACTTGTCT
ATAACTATTGTATTGATTTTATGTAGCACAGCG

>trans_s_10841FJ062920|Pinus taeda isolate 7530 anonymous locus 0_17684_01 genomic
sequence

AGAGGACATATTCTAAACCTCGGACATGGCGTCCTTGTCGGTACACCAGAAGAGGCAGTTGCACATTTCTTCG
ATGTAGCTCTCCTGGGTCCAGGACCGCAAGGTG

>trans_s_10842Z97637|Triphyophyllum peltatum chloroplast rbcL gene

CTCTTAAATCGAGGAGTGCCTATTAACCGCGGGAGACGAGACCTCTCACGCTTTCTGCCGCGAGCTTGTA
CACATGCTTCTAGAGCTACTCGGTTAGCTACGG

>trans_s_10843XM_002509334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12 quinol-to-oxygen
oxidoreductase (MICPUN_92108) mRNA, complete cds

TGAGAATCAAAATAAACACGTACATTAATCATCAAGGTGCATTATCTGGAGTCGTTTGTGCGAGTACACGC
TCATGGTGCCTCAATGGCCCTGATCCATCATCT

>trans_s_10844BT015787|Arabidopsis thaliana At5g28500 mRNA, complete cds

AGAGGGCTTCACTCCTCCCACTCTAGAAGAAATCACCGGAATCAGCGGTGTCCAGCAGAACACCTTCGTCGTT
GGCGCTCGAACTAGTAGCGTCCCGTGGATGTCC

>trans_s_10845NM_001068874|Oryza sativa Japonica Group Os08g0532400 (Os08g0532400)
mRNA, complete cds

AATATAAGATTGGCTGAATCAGGAGAATGGATGATTGCATATATCTGAGTCAAATTGCACCACTTAAACCAG
CAAAGCCTTTCAGAATCCCGACCACAGGGCCTC

>trans_s_10846AC215397|Solanum lycopersicum Tomato chromosome 2, C02HBa0155C10,
complete sequence

AATGGTGGTAGCATTTTGAAGATCCTTGATGAACAAAGGGACATGGGGAATCTCTTTAAGGATTTTAGCCCCC
CTTCTCCAGGACACCACTCTGTGCTCCCTTCC

>trans_s_10847NM_001187175|Oryza sativa Japonica Group Os04g0629200 (Os04g0629200)
mRNA, complete cds

ACTACAAAGAAGACTTTTCGGATTTTGATTCTTTCGTATCTTGATACAAAAAATTGAATCATAGCATTAAGGGA
CCCAGGGTCCCCGAATGTGTATAGGCAAACG

>trans_s_10848NM_001055498|Oryza sativa Japonica Group Os03g0147700 (Os03g0147700)
mRNA, complete cds

CCATTGAATTCGGAATATGGTATTCACCGAGGACCCACCCCTTGATGTGGAAATTACCCACAGCGCTACCCAA
ATAAACGCTATAAGGATACATATATTTTGGAGA

>trans_s_10849Novel Gene

CCGGCGTTTACCCCTATGGACCCTTAAAAATTAAATGCCGATGCACGGCGCGTTGGAGCCTTTGAGGTTAGCA
GGCTGTTTAATAGCTACAAGGAAAGTTGTTTTTC

>trans_s_10850AY313963|Lycopersicon esculentum transaldolase (TAL) gene, complete cds

ATTTTCAGGAGTACACAACACTTTGATCCTCAACTCACAGTTTGTTTTAATGGCTTACCAATTTAAGAGAGTTG
GCCTTGCTTGGAGAGTATTAAGCAGGCTGT

>trans_s_10851CP000581|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 1, complete sequence

TGTAGAATGTCGTTCCAAACATCTTGGTAACAATGCTCCCTCAACGAGCACACACCCCACTACACTGATACAGT
CTAACATCAAAGTGCCCAAACCCCGTACCGCG

>trans_s_10852NM_001125641|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding
(AT4G34100) mRNA, complete cds

ATACAATGCCAACAGCCCAGTGAACCAATGAGCTTGCAAGAGGAGAAATTGAGAAGAACTGAACACGTTGAG
CCATTGACTTCCCAAACATCCTTACAGTACAAAT

>trans_s_10853FJ467934|Carica papaya transgenic cultivar SunUp tetA pseudogene, complete
sequence

AAGAAATTAATGATACTTCTTTATGTTTTGCGGGTTTCTGCCGATTGGTCGTTCAAGACCTTTGGTCTCTACCC
GGACCCGATGAAAAAATGGGATCTATGGAC

>trans_s_10854AF191301|Medicago sativa carbamoyl-phosphate synthase subunit A (carA) and
ADP-forming, carbamate-phosphorylating (carB) genes, complete cds

GAGAGAGCCTCAGGAGCTGGTTCCTTCTGGTGCAGAGAGTTGATTGATCATTCACAGAGAATAGATGGC
CAGATTGTCACAGATGATTCACTTCGTCTAGTAA

>trans_s_10855EF422339|Artemisia annua retrotransposon Ty3-gypsy, partial sequence

CAGAAGGGAATTCGATGTCGGAAATATCATACCCGATGGGTCAAACGTGAGTACCGGTGCGGATTCAGGGC
TACGGTTGTCAGGACCCGGAAACCAAGCCTGGTC

>trans_s_10856Novel Gene

GTCACGGAGATACAGATTATAGATGATTTGAGCCCCAAAAAACTTTCTCGCCAAGGGACTTTGTCAAATGGCT
TTGACTGTCATCATTTCGGATTACAGTTTCGGAGA

>trans_s_10857CT009735|Triticum aestivum

GGTTTGGACTTGAGTAGACTGATTTTTCTGTAGGTTGGAACCGTTCTTGCTGCAAGGCGCCTTATATACTGGGT
ACGAGGAAATCCCCTCCCGGGCCTTACAAAAA

>trans_s_10858XM_002873259|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tudor domain-containing protein,
mRNA

ACGGCCATGGCTAGCAGCAAACCGGGACCCCCTCCTGAGAAGACCATTACTTTATCTTCTCTGATCGCTCCAAG
ATTGGCTCGAGAGAAACAACACCAGAGAGCCGC

>trans_s_10859NM_001060303|Oryza sativa Japonica Group Os04g0602000 (Os04g0602000)
mRNA, complete cds

AAATCTTTCTCAACAACAGCAGGCTTTCCAGCCTTAGGCCATAAAGCGAGAGAGTGAGCAGCAGGCCAGCCCT
CCGTTTCGCACTGTGGAGCCCAACAAACACAGTG

>trans_s_10860Novel Gene

CAATCTGTCTCGGTCTTGAGTGTGTGATGATTCTGACTATTGCAGGTGGTTCTTCTGGAAGGCTGGAAATTTCT
CAAAAAGTCAATGAATTATCAACAAAGTATGG

>trans_s_10861DQ263741|Lavandula angustifolia linalool synthase mRNA, complete cds

AGCACTAGGTTTCAGGATCATGTTCTGAATTAGACTTAGACGAAACGGCAAAGCAAGGAAGTTTTCGGCCACCC
CTATGGTGTACAAGATTCGGCAAAATACTGGCT

>trans_s_10862XM_002954452|Volvox carteri f. nagariensis kinesin, mRNA

CGTAGAGGAACCAACCGAAACGTTGGTAGCTTGTTGGCTAAGTGGGGGGGTGCCTATCCCTTGGTCACATG
TTCGATTGTTACGGTGTAGAAAAGGAAATGGAT

>trans_s_10863HM590589|Anoectochilus formosanus cultivar Hayata immunomodulatory protein
(IPAF) mRNA, complete cds

GAGACGAAGAGAACGAGGTTGTTTCATTGTTCCATGTAAAAGAAGCTGTATCTGCCTTGAAGCAACTTGAGAAT
TAGTGAGTGTTCACCTGTCCCAAGGAAAATCT

>trans_s_10864AY244509|Triticum monococcum cultivar G2528 VRN1 (AP1) gene, complete cds

TGGGTGTCCCAAATCACATTTTTGGTCTGTGGATTCTGAATTATAAACACGAAGGTCTTGTGTTTTTGGCACT
AATGGAATTGAATTGGGTGTCCAACCTCCACTT

>trans_s_10865Novel Gene

CAGAAGAATAGTTCGCTGCTCTTGGTCCCGAAACCTTTGGTCTCTCCTTCATTCCTCAGCCTTTGGCCCTTATTC
ATTGATTCCTAAACCGTAAACCGTAGGCTT

>trans_s_10866FJ529169|Brassica napus cellulose synthase 1.1 catalytic subunit (CesA1.1) mRNA, complete cds

GTTGTGGATATGAAGATAAGACAGAATGGGGCAAAGAGATTGGGTGGATCTATGGTTCTGTGACAGAAGAT
ATTTAACTGGATTTAAGATGCATGCTCGTGGGT

>trans_s_10867AJ277062|Beta vulgaris crk1 gene for CRK1 protein, exons 1-8

TCCACCGTCATACGAAAGATGTCTTCGAGAAAGATATAACGATATTCCTCATAGCGCTGTCGATCTTATGGACA
CTTTGTTATCTATAGATCCTGCAGGGCGAGT

>trans_s_10868AB359915|Solanum lycopersicum LeGAD3 mRNA for glutamate decarboxylase isoform3, complete cds

ACCCAAACGGATCAATTGGTAATACTGAGCAATGACTTGACTAGATCCTTTGGAGAAATTGAGGGTGAAAGT
GGGTGGTCAGCTCCAAGATAGTTGATATGAAA

>trans_s_10869EU594575|Spinacia oleracea 17S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGGATCTAGGTAGTTCTGGTGAAAGGGTACCTGTACCCGAAACCGCCAAGACCGTAGCTACTTCTTGCGT
CGCTTTACGCTATGAATTGTGTCCGGTACTTC

>trans_s_10870AJ007508|Gnetum gnemon chloroplast psaC, ccsA, 4.5S rRNA, 5S rRNA, 16S rRNA (partial), 23S rRNA, and tRNA (Leu, Asn, Arg, Ala and Ile) genes

AAAGGATTATTCCTTTCTGAACTTAACTTTTTGAGGCATTTTCAATTGTCTGACTTGACCCACCGGAGCCGTAG
CGAAAGCGAGTCTTCATGGGGCAATTGTCA

>trans_s_10871XM_002877932|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds, mRNA

CGGATATGACATATACAATTTTGGTTCTGGGGATGTTCTTGTGGACTGCAATGTACAACCAAGTTCAAATCTT
CCTCCTTTTCCACGGGTGGGAGTTAAATTC

>trans_s_10872NM_124725|Arabidopsis thaliana GLT1; glutamate synthase (NADH) (GLT1) mRNA, complete cds

TGTTGTTAACAGACAAAACGAGTGCATCATTTTCCTTGCGAAGCTGATCGAGAGAATATGACGTATCAGTTCC
AACGTTAGCATTAACAACGAAGTTAACACCTT

>trans_s_10873Novel Gene

AAAGGTTGTAGGTCCAGCCGGCTATTGATTGAATCTCTCTGCGGTTGTCTTGACGCTCTCATATTGTTTATG
GGATTCCTTTTAAATTAACCTTGATGAGGCAT

>trans_s_10874XM_001701746|Chlamydomonas reinhardtii sterol sensing 5-transmembrane protein (SSD1) mRNA, complete cds

TTCATCTCTTCAACAAGGGGCTGCCGTCTACGCCATTAAAGCGGTGGAATCGTTCTCTCTCCAAGCGTCGGCT
AGGGGATTTCCCGGGAACCCATTTGTTAAAG

>trans_s_10875Novel Gene

GAGGCAGAGCTCAGTCTCTCTCAAGCTAACGAACTGATTGTTGGGCATATTCAGGCCAACTGCTTCCATATAG
AATCAAAAGAAAGCTTTTTATGAAACTGTCGT

>trans_s_10876AM260505|Platanus acerifolia partial mRNA for tubby protein (tub gene)

AAAGAGTCGTTCTCTAGGCTCGTGGGCCTGAAACAAGTATCACCTAAAGTTCCTGCCGGCAACTACCCTGTG
GCTCACATCTCATATGATAATTTACAGAACCC

>trans_s_10877NM_001054824|Oryza sativa Japonica Group Os02g0777100 (Os02g0777100)
mRNA, complete cds

TCCTAAAAAGCTCTCTCCAAGCTCTGCGTGATACGGTCTTAATGATGAGAATAACTCCTTTTGTGGCAA
CTGAGGTATTGTTGCGTTAGCATCCGCAGG

>trans_s_10878GU171546|Ipomoea batatas microsatellite Stv_lpb_148 sequence

CATGGGTTAGTCGATCCTAAGGGTCGGGGGAAGCCCGACAGACGGCGCGGAATATATGTAGAATCCCTTTC
CGATTTGGCCCCGGAAGTCCAATTCATGTTAT

>trans_s_10879D67088|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 2 complete
cds

AAGCATGCCATCACTGTTGGAAAGCGGGTTAGAGCCGAGACAAACATTTCTCGGGATCGGTTTCTGTTAGTT
CAGCTGCTGTAGAGCTTGTGTGAGCTCCTCTT

>trans_s_10880U16021|Mesembryanthemum crystallinum phosphoglyceromutase (pgm) gene,
complete cds

ATTGTATCCATGTTGCTGAAACTCCCACCATGGATTGCTTAAGAAGGGAGCACCTGAGCATTGGAGACTGCT
CAGAGCGCATGGCAAGGCAGTAGTCAGGTTTCG

>trans_s_10881EU724640|Zea mays subsp. parviglumis isolate mir1_snt3a cysteine protease (mir1)
gene, partial cds

GAAGATGATGATATGTATTGTCGCCCCAGTCTTAGTTGCACTCCAAACACACTATGGTGACTGACAGAGTATCT
GATTCATTTCTGTGTGGTACACGCTACTAT

>trans_s_10882GQ475076|Cucumis sativus GA-like protein mRNA, partial cds

ATGCCCATATCATAGCTTCTCTAATTGTAACCTTTAAGTCTGTAACATCCTTTTCACTATTCTCTATAAATAATAAT
GCTTAAATGTTTTAGCTCTCTCTAGAGTC

>trans_s_10883XM_002882121|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATBET10, mRNA

TCGAAAGGATCAGAGTTCTGTTGGCAGCGTTTTGTCGTCGGAGGAGTTCTTATGGAAACTATGATTCCAATAT
TTGTAACAACATAATCCTAGATCTAACTCCT

>trans_s_10884Novel Gene

CGAACCTTTAGTTTCGCCCGGTCCCCGCCATCCGCCCCGTTCGTGGAGTTGAAGGGAAATATCCAAATACAT
GTCTTATTTTTCAATAATCCATATTTGCAGCA

>trans_s_10885AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

GTAGGTGGCTTTTAAAGTCCGCCGTCAAATCCCAGGGCTCAACCCTGCTGTCCGCCACCTTTGATGGTTCGACC
TCATGCCATCCCCGTCTCCCTTAAAGGCCAC

>trans_s_10886Novel Gene

ATCACACCAAAGTCGCAGATCTTCGGGTATCGTCGAGGACTTCCACGACTTCCTTCACTATCACCGTCTCTTTG
CTTATTAGGGTCAAGGGAGTCTCAAAGGTG

>trans_s_10887XM_002869539|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH:ubiquinone oxidoreductase
family protein, mRNA

AATGGCATTGTTCTTTGTTGAGTGCCTGAGCCTGAGGTTTTGGCCATTAGCACTTGTTTTTCATTTAATCATTT
CCTTGTGGCTGCCCTTTCCCCGCCACCCC

>trans_s_10888Novel Gene

CCACCACAAAAACAACCTTCGTTTCCATTTTCCAACACGGAGAACCACTAGACGTCCTAGCGATGGCCTCTCCG
TTTGTATGAGCACAGAGCTCAATCGGTTTCGT

>trans_s_10889NM_112980|Arabidopsis thaliana zinc finger (C2H2 type) protein (WIP4)
(AT3G20880) mRNA, complete cds

TTTATCCTCTCTATAGCTTCAGATCTCAAACAACCCAAAAATGGAAGGTTTAATCAAAGGCCTCATAGATGTTG
CAATCGGCAACGACCCGCTGTTGTTGCTAGT

>trans_s_10890XM_002881470|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata sodium-and lithium-tolerant 1
(SLT1), mRNA

GGGTGCATGGTTTTTCTTTAGTTTCTATTTCAAGCCTGTGTTAAATGAGAAATCGAAGGCTAAGATTACCCGCG
ATAGTAAAGGTGTTTCGGGATTTGAGAAGTC

>trans_s_10891EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted
repeat, complete sequence; chloroplast

AGGTAGAACCAATAAATATTTCTTTTTCGATTCATCCCTGGAGTTGAATACCTCATTCAAGAATTGTTTTTGATC
CAATCCGTAGGAATCAATAGAAAAGGCAAA

>trans_s_10892NM_001065946|Oryza sativa Japonica Group Os07g0296200 (Os07g0296200)
mRNA, complete cds

TAGCGTGTCTTCGCCCTGTTCCGGACGAAGGGTGGGGGGAAGGGAACGGACAGATTCGAGAGGAATGGGA
CGATCGGGGTGAATTATCCTCCTTTGAGAGGAGG

>trans_s_10893XM_002893553|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kelch repeat-containing F-box family protein, mRNA

TGGGAAGCTATTGAAGGGCCACCTTTACCCGAACAGATATGCAAACCGTTTGCTGTGAATGCATGTGATTCTA
CCATATACGTTGTCCCATCCTTGGCGTGGTGT

>trans_s_10894EU749591|Frangula alnus voucher OAC:JAG313 AtpF (atpF) and AtpH (atpH) genes,
partial cds; chloroplast

ATTTTATTTACTTGACTTGCTGCTCTTGCTTTTTTGATAATATGCTTCGAAAGTGAGGATGTTAATGAATAAGC
AACCTGTTATTGGATACCGATCTAGGTCC

>trans_s_10895AY238968|Nicotiana benthamiana pectin methyl-esterase mRNA, complete cds

AGAGAGAATGTGGAAGTGCCGAAGAAGAAGACGAATATTATGTTTATGGGAGATGGAAGACGGAACACCAT
AATTACCGGTAGCCGATTGTGCAGCTCCCGTTT

>trans_s_10896NM_001161275|Arabidopsis thaliana phosphoinositide binding (AT5G35180) mRNA,
complete cds

AGTCAAAGTTTAAAATTATATCAAAAACAGTATCTGCATGAGCATCGACCACACCAACAGACTTCACGAGAAC
CCCTTTACCACTCTTACTATCAGCAACATCTT

>trans_s_10897XM_003064358|Micromonas pusilla CCMP1545 choline transporter like family,
mRNA

TATGCAAGTGCAGCGGTCCGCGCATCTCCTCGCGCTATTGCAGGCTCGAAGGTCCCCATCTATGCGTGCGACG
GGTTGAGCATGCAATTTGACTATTGGCCTAG

>trans_s_10898NM_118006|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family
protein (AT4G18900) mRNA, complete cds

CAGCAGATGTTGAGAGCTTGGCATGGGATCCGCATACAGAGCACATGTTTGTGGTGAGTCTAGAGGATGGTA
CAGTGAAAGGTTTTGATATCCGGAATGCCACTA

>trans_s_10899Novel Gene

CCTTGTCACCACTAGAGGCCTCGCACTTTGGGCGTCCGGTCTTTCTTTTCGGATCTTGTCTTTCATGTTGAAGG
GGAATATCGAGAGACAAAGCTCAAACCTACC

>trans_s_10900AB491663|Prasinoderma coloniale gene for 26S rRNA, partial sequence, strain:
MBIC10720

TCTTGGAACACGGGACCAAGGAGTCTAACATCTATGCGAGTGTTCCGGGTGTCAAACCCCTACGCGTAATGAAA
GTGAACGGAGGTGAGAACCGCAAGGTGTGCTG

>trans_s_10901AB488586|Choricystis sp. NIES-2338 gene for 18S ribosomal RNA, partial sequence

TACGTTTACTTTGACCCTTCTCAAACATAGTATGTCGAACTAGGTCTCTAACCTACTCTTCATAAATCCAAGAAT
TTCACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCC

>trans_s_10902BT008827|Arabidopsis thaliana At3g03570 mRNA, complete cds

AACAGTAGCATTCCAGTGAGCGAAGCCTACTGGTCTCTTGTTGACAAAGCTGACCGGAAGTTCTCCAAAGCTG
AAAGTTCATTCCGCCGTAGATATGGCGCGATG

>trans_s_10903AB048713|Pisum sativum PsSCR mRNA for SCARECROW, complete cds

CATTATGATTGGCCAATGCCGTCTTATTCCTGCTGCAGTAGTGGTAATTTCTCCCTGGTTGTTATAATTTTAGT
GGTATATGCTCCTTCACCTTGTTTTGCTGA

>trans_s_10904AY007367|Lycopersicon esculentum tospovirus resistance protein C (Sw5-c),
tospovirus resistance protein D (Sw5-d), and tospovirus resistance protein E (Sw5-e) genes, complete
cds

CATGGTGTCCATCCGATGGCAAACGGTGGTGGGGAAGGCTTAAAGACAGAACTCCGAGAGACGATGATACCT
TCGGCAGCTTCAATTCCAAGAGTCTTTGTTTGA

>trans_s_10905NM_001054675|Oryza sativa Japonica Group Os02g0752200 (Os02g0752200)
mRNA, complete cds

ATGGCAGTTCCTCCAGCTTGCCAGGATAACCAGCCCACAAGATGCTTCCTATCTTCTCATTATACTTAGCTGA
AGATATATCAACTGGGCCTCCAGAGAGAATC

>trans_s_10906NM_001072918|Oryza sativa Japonica Group Os12g0207200 (Os12g0207200)
mRNA, complete cds

TATGGGTTTCACGCCCCGTCTGCGGTAGCCTCAGGGGGACCCCCAGCAAACGTGACGCCTCTGCGCTCGGC
AGCGTTCAACCAGCCAAACGTCAGCGCACGTC

>trans_s_10907NM_001063226|Oryza sativa Japonica Group Os06g0130600 (Os06g0130600)
mRNA, complete cds

AGTGGATCTTAAGGACCACTGGGCAAGACACGGTACAAATCGCTACATAACAATCAGGTAGCTAGGAAGTAA
CTTCAAGAGGAGTAGAACATTTTGCAGAGGTCC

>trans_s_10908XM_002533723|Ricinus communis Nonspecific lipid-transfer protein C, cotyledon-
specific isoform precursor, mRNA

CAAGACGACCGCTACGAGGCCAATCAGTACCTCAAAGCCGTCAAGGATTTGCAAACAGCGATGCAGTATTTT
GCGAGGCTCGCATACTTAAGAGTGGTAGAACAA

>trans_s_10909GQ369449|Sorghum bicolor LOX7 gene, complete cds

GTGACCCTACCACAATGAGGAAAGTACCCGTGCTGTGTGAGTTCCCTAGTCTTAGCATCCTGTACTGCCAGTTT
CATTACCGATTCAATCCGACTCATATGAATA

>trans_s_10910DQ975456|Capsicum annuum 26S proteasome subunit RPN7 mRNA, complete cds

TGAAACTAATCGCCCTGATTCAAAGAATGCTCTGTACCAAGCTACCATCAAGCAAGGAGATTTCTTACTGAACC
GTATCCAGAAGTTGTCTCGTGTAAGGTCGAA

>trans_s_10911AY114661|Arabidopsis thaliana cysteine protease component of protease-inhibitor complex (At5g43060) mRNA, complete cds

AACCACACTTGGGTGCTGAGCCTGAAAATCGTTTCCACATCTTCAAGGACAATCTCAAGTACATCGATGAAATC
AACGCTCAAAGCCCATTTCGTTAGCCGAACC

>trans_s_10912NM_100503|Arabidopsis thaliana MEE5 (MATERNAL EFFECT EMBRYO ARREST 5);
GTP binding / GTPase/ translation elongation factor/ translation factor, nucleic acid > (MEE5) mRNA,
complete cds

AGAACATATGTCTCAAATCAATTTCTGGTGGGTCTCATGTCCAATCCAACCTTGGTCCGCAATGTTGCACTTGT
AGGCCACGTACATCATGGAAAGTGCCAGAAG

>trans_s_10913AY103803|Zea mays PCO096007 mRNA sequence

GAAGAGCCTTTTGCTCCAAATAATCCAAAAGGTTTTGTTGGAAAAGCTCTTGGACAACCTGGTTTTAAACGTTT
TGTGCGCGTTGGTGAGACTGGATTGAGAGAG

>trans_s_10914AF374954|Athalamia hyalina isolate AthC7D8 26S ribosomal RNA gene, partial
sequence

CGTTTCGTAAAAGTTATACATACAGATAACCGTACTGATAACCGCAACAGGTGCCCAAGGTGAGCAGCCTCTA
GACGATAAATTAATGTAGGTAAGGGAAGTCGG

>trans_s_10915FJ708672|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

AAAACCCAAATGGAACTTGATGCAGTACCAAACACGGCGAGACTTTCCAATCGACGACAAGAAGTACTGTTA
CACTTTGAAAACAGAGGAAAGAAGAAGGTATT

>trans_s_10916Novel Gene

TTTACATAATTTTTCCCAATCTAATTTTTCGTCTGAAAGCAAAATATATCCGTTCTGGCTCCGATTTTTTTGTAACC
TCACGGCTTAATAGACGCTACTATAGGCC

>trans_s_10917XM_001694820|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTGTATCACGGCAGCCTGTAGACATTAGCCCCACTCCTCCCTGCCTGCAA
AAGTCAGAGCCCCGGAGTTCTGAAGCCACCCA

>trans_s_10918GQ165715|Catharanthus roseus ubiquitin mRNA, complete cds

AAGGAGTCGACCCTTCACCTTGTCCTTCGTCTCCGTGGTGGCTTCTAAATCGTTCTTCTGAAAGTCGGAAGCGG
GTTTGGTATGTCAACCGGTGTGGGTAAATTT

>trans_s_10919GQ205414|Solanum lycopersicum calcium-dependent protein kinase mRNA,
complete cds

GTATCAGGTTATGTGAAGGCGGTGAATTGTTGGATCGGATATTGTCCAAGAAAGATAGCCGCTATACCGAGA
ATCTACGACGATGCTGCACCGGGCAAAATAGCC

>trans_s_10920XM_002866220|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phox domain-containing protein, mRNA

GAGATGCAAGAAGACTTTACACAAATGTTGAGAGGTTTTGTCCTTAATCAGGTGGGATATGCAGAGAAAATG
GCAAATGTTTGGGAGAATCTTGCAGAAGTCCAG

>trans_s_10921Novel Gene

CTGCTTCTTTCTTTTGATTTCTCTGCAAATCTTGTGGTTCGATTAATACCAAATGGGTAAGGAAAAGACTCATA
TCAACATCGTGGTATAACCGGTGTGATGTG

>trans_s_10922GQ487332|Cucumis sativus metallothionein-like protein type 3 (MTP-3) mRNA, complete cds

TCGGCAGCCGGTGAAAGTGACTAAAAATGCCTACGCCCAAATAATTAGCTTCTTCACCATGTCGTCATGTGC
GTTGTGCGACTGTTTGTAGTGGAGTTTGGCATA

>trans_s_10923Novel Gene

TAACCAAAATCCATATAAAAGATATCTTCCAACCTTTGAATCGAATTCCTATCCCATAAACTCTTAAACCTTTTAT
TCTAATATTTGTATTTCCGACAGGGTTTT

>trans_s_10924AB006081|Fagus crenata mRNA for chlorophyll a/b-binding protein, complete cds

ACCTCCAACAATGGCTGCTTCTACAATGGCTCTTTCCTCCCCATCTCTGGCCGGCAAAGCCGTGAAACTCTCCCC
CAATTAAGTCCCGGACTTTCCAGTTCCT

>trans_s_10925HM560979|Solanum lycopersicum auxin response factor 8-1 (ARF8-1) mRNA, complete cds

AGCTGATTGATCAAGGTTGGCTGGGATGAGTCGACAGCAGGAGAACGACAGCCAAGAGTGTCTTTGTGGGA
AATTGAACCACTGACAACATTTCCAATGTATCCA

>trans_s_10926DQ452532|Cucurbita maxima RAPD marker OPAA04_1131 genomic sequence

CAACCGGCGATTTCCTCTTCCTTCATTGGGAGAGCAAGAACAAGTCTCTTTTTTTGGGGGGGGAGCAGAG
CAGTCAAGAGGATGACAATCCAACCGGAAAGG

>trans_s_10927XM_002869593|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata multidrug resistance protein 2, mRNA

CAGAAAGCACATTGGCCTCGTCCAACAAGAACCAGCTCTTTTCGCCACGACAATTTACGAGAACATTCTTTACG
GGAATCTTCTCGTAGTCTTCGGCTTCATAA

>trans_s_10928AY109680|Zea mays CL17699_1 mRNA sequence

TAAGAACTTTAGACGGTTACTAGAGGTGAGTGAGAGACAGACATTTACGGGTCCTCCTGAGAATGTCAGAGA
TCATGTAAGTTAGTACGTGTGGGTAGGAGCGG

>trans_s_10929Novel Gene

AAAGCATCAAAGAACAAAATTTAACAACAAAGAGTGCTGTTAATGGTGAATCATCAAAGCTTCTGTTTCCAG
CAATGCTGAAGTGGTGTCTGTTTTGGCACTCGT

>trans_s_10930XM_001698541|Chlamydomonas reinhardtii ERD4-related membrane protein
(ERM9) mRNA, complete cds

TGCTCAAGCTAGTGCAACAATGTTGCCTGTCAATTCTGGGCTTATTATCATCCCTTTTACTGTCTATGGAGGTG
GTAGTGCTGTTGTCCCAATCGATGGCACCCG

>trans_s_10931XM_001699588|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GATAATCAGAATCAGACTGCTACTGGAGAGCTGCTTCACACCCTAACTCCGACCGACCATACCTACTCAATCC
GGGAGAGGGCCCAATCATAATCCAGCGCAC

>trans_s_10932XM_002889227|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PDE318, mRNA

ACAGAAACAATTTGGAGAAGTTAACTTGCCGTGCTATCACATCTTCCAACGGCAGTGCTATTTGTGCATGAT
CTGTCTGGCGAACACAATGTCCACAAGTCCG

>trans_s_10933AJ717996|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BSTT22-2-300, cultivar Bright
Yellow 2

TCTCCTACCGTTCCCCCTCTGGCTCTCCTTGGAGCCCTTGTTAGCAACAGTATCAGTTTTCTTCCACCTTTAG
ACCTAAGCTTCTGAAGTTTATTACATCA

>trans_s_10934NM_121597|Arabidopsis thaliana structural maintenance of chromosomes (SMC)
family protein (MSS2) (AT5G15920) mRNA, complete cds

AAGATAACACCTCTCAAGCTAATTCCATTCTATTCTTAAACCATAACGTGCTTGAGGAATATGAACATCGTCAG
CGTCAGGTAAGGTTATGCATCTGATTATCGG

>trans_s_10935DQ269451|Stevia rebaudiana IPP/DMAPP synthase (ispH) mRNA, complete cds

CTCATCAGGAAATTGTTTTCTCGCTTCATAAGCAATCTGAACTGCTCGCTCGACTCCCCAACAAAATCCATATGC
TTCCGCCAGTTTTACAGTAACATCTCCCCA

>trans_s_10936X66012|T.aestivum mRNA 1 for cathepsin B (2529)

ATCGTCCTGGAGCGGAGGAGAAAACAGAATGAGTGTGGGATTGAGGAAGATGTTGTTGCTGGTTTGCCTCA
ACAAGAAATATTGCCAGGGAGGCTGCCATATT

>trans_s_10937Novel Gene

GGAGGGGGGTTCACTTCTTGTGTTACCGTTCGGGATCTGGGCGTTCTTCTCAGACAGACTTAACGGAGT
AGGGTGTTTCATCTGTATCCACCTCAAGAGGGG

>trans_s_10938FJ094415|Pinus taeda isolate 1328 anonymous locus 2_3592_01 genomic sequence

TATCACATTTATTAGCTGTGCCTTGTGTTGGAGTTACTTCCGATACACGATAAGGAGAGACTTGGATAATATCC
AACTCAAGACTGGAACATCTGCCGCTTTTGG

>trans_s_10939NM_001071479|Oryza sativa Japonica Group Os10g0494300 (Os10g0494300)
mRNA, complete cds

AACAGTGTTAGATTGGGAGGGAGTCAAGCTAGTTTCTTTATGCAAGCGTTTACATTGACAAAACGTTCTTTA
TCAACATGTCAAGGGACTTCGGTTATTATTG

>trans_s_10940Novel Gene

TCATCTACTCGGCGCCAATGCTGCCGAGATCTCGATATACGTGCAACAAAAAGGCTTACGGTGGATGTTTCGAA
TGTTTGAGAGTAGAGAAGGGCGTAACGGATAG

>trans_s_10941FJ895891|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 23S ribosomal RNA (rrn23)
gene, partial sequence; chloroplast

CTTGTGTTTGCTTTTGTGAAATGCCCCGGAACACGGAGATAGCTGGTTCTCTCCGAAATAGCTTTAGGGCTA
GCCTCTTCTACTACTCTACTGGAGGTAGAGCA

>trans_s_10942FJ518896|Entandrophragma utile internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA
gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

GAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTTCAGATCCCCTCAGAGCAGCTTGAAGACCTAACCTTGCAAAGGTC
CCTTATCTTCGGATTTTCGAGAACCCTTGCATC

>trans_s_10943NM_001058413|Oryza sativa Japonica Group Os03g0845500 (Os03g0845500)
mRNA, complete cds

AGTGTAGCAATATCATCCGAGCTGATAGGTTTCATATGTATAACGCTGCTTAGCATCATGAGAACCAAGCATAA
CTTTACGACTCTCTCGTCCCATATCCATGATG

>trans_s_10944XM_002892675|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata eukaryotic release factor 1-2 (ERF1-
2), mRNA

TGTTTGATCTCGTCTTCAGGCCAAAATACTTAATGTTGTCGATGTCTTATGGAGGGGAAAATGGATTCAAT
CAGGCCATTGAATTGTCATCCGAAATCAAGG

>trans_s_10945NM_001063520|Oryza sativa Japonica Group Os06g0182500 (Os06g0182500)
mRNA, complete cds

CCAGATTGTTCTAGCTTCAAGATTATGAACACCAATGAGTGCCAGCCTCTCTTCCATGAGGTACAAGAATTTTT
CTCAAGTTTAAACATGAACTAAACCAAGAA

>trans_s_10946FJ529169|Brassica napus cellulose synthase 1.1 catalytic subunit (CesA1.1) mRNA,
complete cds

GTTGTGGATATGAAGATAAGACAGAATGGGGCAAAGAGATTGGGTGGATCTATGGTTCTGTGACAGAAGAT
ATTTTAACTGGATTAAAGATGCATGCTCGTGGGT

>trans_s_10947AY389598|Hyacinthus orientalis karyopherin alpha mRNA, partial cds

AGAAGCGCTGCTCTTAACAAAAATTGGTACTGCACCATGATCAATAACCACCTTTGTGTGTTCTGAGGTTCCAG
ATGCAATGTTTGTGAGAGCCCAAGCAGCCTC

>trans_s_10948XM_002864198|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH-dependent glutamate synthase 1 gene (GLT1), mRNA

CGGATGGTCAATTAAAACTGGAAGAGATGTGGCTATAGCTGCTTTGCTTGGTGCAGAGGAATTTGGCTTCA
GCACTGCACCCCTTATTACAATGGGTGCACCG

>trans_s_10949AL161581|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 77

GTCTTGTTTTCCACATTTTTTAAATAAAGGAGGTAACCATATGTGTTTAATAGAACGGTAAAGAAGAAAAA
CAGAGTATAGTATATATAGCGCGATAGAAAGT

>trans_s_10950CP001329|Micromonas sp. RCC299 chromosome 9, complete sequence

TCTGCAACGGTTGCCTGGATGAGCGAAATTTAGTAATATTATTCGTGAACGTATTGAGCACGCGCCGCTCTCCT
GCCCCCGTGCCCCGAACCACACACGTTTGT

>trans_s_10951AY081851|Prunus dulcis 60s acidic ribosomal protein (AL60SRP) mRNA, complete
cds

CTGCTGCAGCTGTTGAGGAGAAGAAGGAAGAGCCAGCTGAGGAGTCCGATGACGACATGGGTTTCAGCTTG
TTTGATTAATCTGTATGTTAGAGATAATAGGAGG

>trans_s_10952FJ708672|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

AAAACCCAAATGGAACTTGATGCAGTACCAAACACGGCGAGACTTTCCAATCGACGACAAGAAGTACTGTTA
CACTTTGAAAACAGAGGAAAGAAGAAGGTATT

>trans_s_10953Novel Gene

CAATCAAAAACTAAAAACAGGGATACCTAAGTATTATCATAGGTATACTGAACATTATCTTTCCGCACCCAG
CGCGGGCGCCGACGGTGTAAGAGAAATATCG

>trans_s_10954BT010331|Arabidopsis thaliana At3g62310 mRNA, complete cds

GAGAAGCGCTGACACGAAATCTTTCGGCAACACGTCTAGAACTGACATTGCTGCCACCCTGCGAGGCTGA
GTGCATGCAACCATCATCTTCTCCGTTTATCT

>trans_s_10955Novel Gene

AGACATGATATTTCTTCTTATTGGACGAAGACCAGGGTCCTTTATATTTCTCTCTGAAAGCCTCCTGTACAC
TGGAGCTCCACAGACCTTCTCTACCGTTGG

>trans_s_10956XM_002884667|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mRNA capping enzyme family
protein, mRNA

AGGTCCTGCTGCTCTTTGAATGAAAATCATGATGATGGTGCTCAAGTGATGACAAATGATGATGTTTTGGGT
GATGAGATTCTGAAGACCAAGAACGTGGTTT

>trans_s_10957NM_180881|Arabidopsis thaliana PHOT2 (PHOTOTROPIN 2); FMN binding / blue
light photoreceptor/ kinase/ protein serine/threonine kinase (PHOT2) mRNA, complete cds

TCCACCGGGACAGAAGTCCATAATCAGAAAAATGTGTGTAGACGTCTGAAATGAAGAGTATAGAGTTGGCAT
GAAAGGATGATCCAAAAGTGATATGATTTCCT

>trans_s_10958X74126|H.annuus mitochondrion genes trnH and trnE

AGGGCTTGGGCAGGGCTGTCGGTCCCTTTCGTCCAGTGGTTAGGACATCGTCTTTCATGTCGAAGACACGGG
TTCGATTCCCCTAAGGGATACACGCAAGGTTG

>trans_s_10959XM_003080748|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot08g02260) mRNA,
complete cds

AAACTTTAGATATTTAAGAAGTCCTTGTTACTTAGTTGAACGTGGACATTTGAATGTATCGTTACTAGTGGGCC
ATTTTGTGCCTGTCTTGACCGCTACGGGGA

>trans_s_10960GQ996945|Glycine max cultivar Kefeng No.1 beta-form rubisco activase (RCAbeta)
gene, complete cds

AAAGAGGAGAACCCTCGTGTTCCCATCATTGTGACGGGTAACGACTTCTCGACTGGTGCGTAGAAGAGACGA
ATGTCGTTGATGCGTTCCCCGGAGCGGTTTAC

>trans_s_10961XM_002325386|Populus trichocarpa tubulin alpha-8 chain (TUA8), mRNA

TTTGCAGTGCAATTACTAATCGGCGTTCGCACTCGGTGAGGCATAGATCAACTATTTCCCTGCCCACTGTATA
ATGTCCTCTCGAAAATTAAATGCAGCATCT

>trans_s_10962AY104518|Zea mays PCO088071 mRNA sequence

GATGAGGAGAAGAGTGACGATGCACCTTCAAAGGCAGGAATCTTTGGAAACATGCAGAAGTTATATGAAACT
GTGAGGACAGCGCAGGGAACCACTGGGTCATCT

>trans_s_10963Novel Gene

CATGAAGCAGCATCAGCATCAACATCATTCTGGGATGCAGCAATCTTCTGGTTCGGCAAACAACCTTTAAGACG
AAGCTTTGTGCGAACTTTACGAATCACATCCA

>trans_s_10964Novel Gene

AAAGACGCTCATGGCACGGCGGTGTTAGTTTGACAGCTGATGATGGGATATTCCTATAGATTGAATGTGGAG
TAAGTATTTACTTAAATTGGTTAGTCGCCCCGAG

>trans_s_10965Novel Gene

AAAGGGTCGGGGAAAGCTCTAAGAATCCGATGATGTTGGGTTTGATGTCGATGTTGAAATCGATGGGTGATT
CTTCTATGATCAGTACGGGGAAAAACCCCAA

>trans_s_10966AB488786|Oryza sativa Japonica Group OsSPP2 mRNA for signal peptide peptidase
2, complete cds

CAAAGATGCCAGGAATGACAATGTCACCTAGTCCAAGCATGGAAAATGGTCTGGCGGCATCTGCAGTGGGGA
ACAAAAGCTTTACGGGTGCATCAAACGATTTTG

>trans_s_10967NM_118031|Arabidopsis thaliana ERD3 (early-responsive to dehydration 3) (ERD3) mRNA, complete cds

AGAGGATGGAATACGACTGTGGAAGAACAAGATCAGACTATGAAAAATTGCAGGAACTCCTAACTTCGATG
TGCTTCAGCGGATATAGTTTAGTGGTAAAACCC

>trans_s_10968EF416196|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 044BT43M33-349.4 genomic sequence

GCCAAGGTGAGTAACCGGTCTGATCAGAATCTCCAACAAGATCAATGGTTAATGGATTGGTTAGGTAATTTTCG
GGATAGTTTTAAGATCCAAGACGGCATTGTTG

>trans_s_10969Novel Gene

ATCTTCAATCTTTACGCTTCTCTTTCTTCTTCTCCTCCTCTTTTTCCCCCTTCCCAGACGACTTAAATACGCTC
ACTTTGCAGTACGAATACGAACATGTC

>trans_s_10970XM_002880636|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ein3-binding F box protein 1 (EBF1), mRNA

CAGCACCAATCTATCCGAACCCCAAGGATACAAGTCTCTTTTTATCCCTTGGTCCCCATGTGGATGTTTATTATC
CTCTCCGTAAGAGGTCCAGAGTCAGTGCTC

>trans_s_10971Novel Gene

ACTTCGAACAGACTGGACATAAGCCGATGAGGATTTGTTCTATTTTAGGGTTCCGGCAATTAGTCCGGGGAAG
GGGTCGTGACCCACTCAGTTAGCGAGTCTCGA

>trans_s_10972NM_001066927|Oryza sativa Japonica Group Os07g0636100 (Os07g0636100) mRNA, complete cds

CGAGCTTTTCTGAAGAGGACGGAGTTGATTAGGGATCAGACAAAGTTGATACTGGACGCGTACAAGTCATC
TAGCAGACGGAAGGCCAGGACCCAGACAAGGGT

>trans_s_10973XM_002304284|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

TGAGACCCTAACGAGCGGCACAGACCTTCTTCTCCTTCTTCTCCCGGAATTCAGGACCTTCAATTGCTATACCA
TCGTCAGTTAAAATCCACATTCCCTAGCA

>trans_s_10974NM_121303|Arabidopsis thaliana ATGSL12 (glucan synthase-like 12); 1,3-beta-glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATGSL12) mRNA, complete cds

CAGTGGAGAAATTATGACGATTTGAATGAATATTTCTGGTCTATTGATTGCTTCCGTCTTGGTTGGCCGATGCG
ATCTGATGCTAATTTCTTTCAGCGCTTCCTG

>trans_s_10975NM_001125668|Arabidopsis thaliana pathogenesis-related thaumatin family protein (AT4G38670) mRNA, complete cds

CGTGTGATGCTTCAACCAACCGCAGTATTGTTGCACAGGCGCGTACCAAACACCGGACACTTGTGAGCCGTC
GATGTACTCTACTCGAGGAGTCTTTATACATT

>trans_s_10976XM_002889128|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl hydrolase family 3 protein, mRNA

GTCTATATAAGAAATAGATACTTTATTCATCTCCACAGCGGATTCGTGTGCTCCTTCAGATACGTGCCACAGTT
AACATCCATTCCAGCTCTAAGAACATCAGC

>trans_s_10977AF043539|Spinacia oleracea ClpC protease (clpC) mRNA, chloroplast gene encoding chloroplast protein, complete cds

GAACGCTATGAAATTCACCACAACTTCGTTACACGGACGAAGCATTAGTAGCTGCTGCGCAGCTGTCATACC
AGTACATCAGTGATCGATAGAGTAAGTGCGGA

>trans_s_10978Novel Gene

AAGACCAAATGTTATCGATGCAAAAGTGAAGTAGCTTGATGTATCAGACCCGAGCAGAGAGGATTCGCTTGG
AGTTTATGTCTCATGCTCGCTGGCACGTTCGAG

>trans_s_10979EU717679|Litchi chinensis ARF-like mRNA, complete sequence

GTAACGTGTGTCTCATTGCACGTCTCACACCAACGCGCAGCTCTCCATTCTACCCCTCAAGAATATAAAAGCA
TCTCCTGCAACCAGTCTTTTTGAGCTCACGA

>trans_s_10980NM_001051956|Oryza sativa Japonica Group Os01g0952600 (Os01g0952600)
mRNA, complete cds

AGGGTACAGTCAGGACAGTAGACTACCAGCAGAGTTTGAAATAACAGAATATTGCCATCCATGTGGCTCACA
GTCCAAAAATGTTCTTGCTGTTCAAGTGTTTGG

>trans_s_10981NM_001054224|Oryza sativa Japonica Group Os02g0669100 (Os02g0669100)
mRNA, complete cds

ACGCCCTCGTGATACCTACAGGGAGTTCAGAAAGGCTAGCATTTTTCTTCCTTCATACCATTCTTCTCCTTCCC
ATCCATCAAAAGTTTCCAGATTTAATTCTT

>trans_s_10982XM_002893568|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipase class 3 family protein, mRNA

TTGCGGGCTGCCAGGGGCGTTTGCCCTGAGCTAAACCCAATTCGTTGAGGAGTTTATGGCGGTTATATCTACA
ACTACCGCAGAATTCAGAAAGTGGGTGCAAGT

>trans_s_10983EF587466|Chlamydomonas moewusii strain UTEX 97 photosystem II CP43
chlorophyll apoprotein (psbC) gene, complete cds; chloroplast

TTTTTCGGGACTCTTCAAGCCAAATTCATGAATAAAAACTACTTTGTACAGTTCTCAAACTTAGTTTATTTTG
GTTTCTAAAAGGCTTACTAGAAGTAACAAA

>trans_s_10984NM_116184|Arabidopsis thaliana RRF (RIBOSOME RECYCLING FACTOR,
CHLOROPLAST PRECURSOR) (RRF) mRNA, complete cds

GATCAAATCCTGCCATGCTTGATAAGATTGAGGTGGAGTATTACGGCAGTCCAGTTAGCCTGAAGAGCATTGC
TCACGCCGATACACTCAGCATGGAGAGTGAGA

>trans_s_10985FJ184993|Aegilops speltoides fructan 1-exohydrolase gene, complete cds

TCCCCTGCTCAAGCTAGCAGTTGTTACAACGGACAGTTAAGACCCGAATAATAGTAGGGAAAATGACAGATAC
CTCCACCATCACGACAACAGGGTTAGCTACTT

>trans_s_10986GQ998700|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 ribosomal protein L32
(rpl32) gene, complete cds; chloroplast

AATATTAATAACCCGTAATCAACGCTGCCCCGACGCCCTTTGCTTTTCCAAATATTTTCCGAATCCGTTTTTTTGA
TATAGAAGTGCGCTTTAAACCCCCCACC

>trans_s_10987NM_124028|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT5G46580) mRNA, complete cds

CAGTTTCAACTTATTGAAGATCTTGCTAATGATATGGTTAGTACTGGGATTGAGCTTGATAACATTACTTATTCT
ACTATTATTACTTGTGCTATGCAGACGGAA

>trans_s_10988NM_102674|Arabidopsis thaliana PUB17 (PLANT U-BOX 17); ubiquitin-protein ligase
(PUB17) mRNA, complete cds

CAGAAGCAGTTGAGAAGGACTAGACTGTTTGTTGATGAACGTGATGAGGTTTTGAGGACTTGTTTCCTTCGT
TTCTTGATGAGTTTGAGAACGGGAGGCTTCCT

>trans_s_10989Novel Gene

CTTATCAACAGCAACAACAGCAACAGCAGCAGCCGTCGTCGCAACAGCAGCAACAGCATGCTCAGTCGCAGA
GACCTCGTAGACAGGGGTCAACAAGTAGAGTTA

>trans_s_10990Novel Gene

TCGATGAGTTGAAGATCCGTAATTCTATGCGAAATCTGCACCTACTAATAGTATTCTTTAAGGGTTGTATAGTA
TTCTAAGGGAAAGACCTTTTAGGCGTGAAAA

>trans_s_10991XM_002300518|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA904), mRNA

AGGACTATTATCTCCAAGGTTGTTGAAATGTATCGACCAGGTGTTATTGTTCTCCAGTGTGGAGCTGATTCATT
GGCTGGAGATCGCTTAGGCTGCTCCGCGAGA

>trans_s_10992AL161536|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 36

AAGATACCTCCAGATTGTCCTCTCAATACATCTCCAACCAGATCGAGGGTGAAGAAGTTATGCCTTCCCTAATA
GGGGATAAAAGAGCAGATGAGGATAAATATT

>trans_s_10993GU373813|Secale cereale cultivar Qinling HMW glutenin subunit Rx (Glu-Rx) gene,
complete cds

ATTGGGCAATGGGAGCTTTTCATCTTGCAAAGCACAGCTGCAATAGAAGCAGAACCAGAGCAGTGGGATTGGA
TTGTGGCAATCTTCGGCTATCTCAAATTTGTTG

>trans_s_10994XM_002326080|Populus trichocarpa PAF1 complex component (PAFC901), mRNA

ACGAATGAAGCTGGTCAATCAGAAATGGAATGGAAAAGATGCAGAGGGCATTGAAATATACCCTTTTGT
GCAATGGCTCTGAATTACTCAATCGGCTGTCCC

>trans_s_10995AB545982|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins and S2-RNase, complete cds,
haplotype: S2

CGATGAAACACAACCAGGAGAATTATTGCCTACATTTAGTACCTTAGCCATGTTTCGTACGTACCCAACATTCA
CCTTTGGAGGATCTGTTGGATCCCGTCAACA

>trans_s_10996NM_119573|Arabidopsis thaliana LEJ1 (LOSS OF THE TIMING OF ET AND JA
BIOSYNTHESIS 1) (LEJ1) mRNA, complete cds

AACGTTGATTAATATACATAATTAGAACCACAAAAACCTAATCTTTTCTTATTCCTTTGTGTAGGCTATTGCTTG
AAACAAAGTCCATCGTTTACCGGTGGTTT

>trans_s_10997GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

CCATCAATGGTTCATGCAGGCTGCGGAGGGACCTTAGCCTCTTGCCATGCATTGGACATTGCAGGTGTTGAGT
TAGTGGATCCTCTCACTGCTGATGTTTATGCC

>trans_s_10998AY105426|Zea mays PCO146438 mRNA sequence

ACAATTGTCAATTCAAGAATAACGGTGTTCCCTAGAGTTGAAGGGTCCAAAGCTCCTCTGGTTTTGAATGGTG
AGGATGCGAAGTTGATTTACGGCCTCGGCCG

>trans_s_10999AF050673|Gossypium hirsutum vacuolar H⁺-ATPase catalytic subunit mRNA,
complete cds

TCTTCTCAGAGTCTTCAAAAGTGGTCAAACGAGCTCCATAGACAGACGGCATTGTGGAAGAGAAATGATCGG
AAAGAAATCAGATCGAATTGTTAACAGGTAAGA

>trans_s_11000AF080544|Nepenthes alata amino acid transporter (AAP3) mRNA, partial cds

GGGACATGGCACCGGAAACCTACTCACTGGGTTCGGGTTCTATAATCCTTATTGGCTCCTTGATATTGCCAAT
GCTGCCATTGTGTAGGTGGAACAACACGAA

>trans_s_11001NM_001057170|Oryza sativa Japonica Group Os03g0606100 (Os03g0606100)
mRNA, complete cds

CAAGAGCCTGAAAGGACCACTGGAGCGGACAGCAGCACACATGCTGGCAATGATCAATCTCTCCACAACCTT
CTTCAAATGTCAATGAAGGTACTCAAAATGCA

>trans_s_11002GU320195|Nicotiana tabacum cultivar Turk ankyrin repeat-containing protein
mRNA, complete cds

AACTGCCCCTTCACTATGCAGCTGGTTATGGTCGAAAGGACTGTGTTGCCCTTCTCCTGGAAAACGGCGCTGC
TGTTACTCTCACAACATGGATGGGATCGGAG

>trans_s_11003AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

CGGACAACAAGGTTTTACGAGAAAAACAAATTGTGTTGGAGGGAAAATGTCCACAGGTGTGGTTCCTCTA
CGCCTAGGACACCAGAATATCCTGATGCTTCGC

>trans_s_11004XM_002888965|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CYP721A1, mRNA

AAGAGTGGGCAGTGCTATTGATGTCATATCTAACTAAGAGAGCTTATTACATTCCAGGGGCGAGGTATATACC
AACGAAATTAACAAAGAAGCATGGAGACGGG

>trans_s_11005EF552588|Colocasia esculenta starch branching enzyme A (SBEA) mRNA, complete
cds

AACTTAGATGATCAAACCGGAGACATCAGAGGAAGAGTTAAAAACCTGATGACTCAAGTGACCAACAAATG
GGTAGGGAGTGGACCCCTTTTTCCCTGCGCG

>trans_s_11006FJ373209|Poncirus trifoliata MAX2-like protein mRNA, partial cds

TCTGCCAGCTTCTCATGGCCTGCACGTTTGATCCCAGGTATTTCTGGGTTTGTAGGAGATGAACTTTGTCTGCT
ATAGCTACTAACTGTCCAAGACTTAGCCTTC

>trans_s_11007XM_001700605|Chlamydomonas reinhardtii pyruvate formate lyase activating
enzyme (PFLA1) mRNA, complete cds

TTGTTCCGACTGCCGGCAAACCTAGAGGGCACTTCACTACCACCCGAAGAACAACATCGCTCGGTTATTAGAT
GACTCTTGGGCGAGTTTCTCAAAGATATCGTT

>trans_s_11008CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

GAAGCAAGGTAACCGAGTTCCAAGTGTGAACAGCGACCAGGAGACGGAGCCAGAGAAGTTAAAGCGTTTC
TTGACGGGATTTGATTCCGAGGCATTGCTCTCTG

>trans_s_11009AY056434|Arabidopsis thaliana AT5g24690/MXC17_8 mRNA, complete cds

GCAATGATCAATCATTTTGATGTTATTGGAGTCGCTCTGTTCCCGGATCTCATGATGAGGGTTTTGAATGTGCA
CAGCTCAGATTGCCCGTGACAATTATACTC

>trans_s_11010CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

TCTATTTACTCCATCTGCTTTGCAATCTAACGAGTCGATTTGGATATATGTTTCTGTTTCGGGCTCGATGAGTCC
CATGCCCATCTTTGCGTCGGAATCCAAACT

>trans_s_11011Novel Gene

ATTTACATAGTGTTAGAGGGTCGGATCGGAGGACCCGGATGAAGACTTAGGACGACTCGGGTTGACCCAGTC
AATACACAAAGTTGACTTTGGTTCTATAGGGG

>trans_s_11012XM_003079926|Ostreococcus tauri sporulation protein-related (ISS) (Ot06g03590)
mRNA, partial cds

AATAGAAAGAGTCATCCCTTCCCACGTGTCAAGTTTCATAAATTCATGCTGCCTCAACCATAGGCTTTTCTCAAT
CTCGCACAATCGCCGGGCGCGGTAGGTAT

>trans_s_11013U20778|Hordeum vulgare catalase (Cat2) mRNA, complete cds

GAGTCAACTGACGGAGTTGAATATATATGAATATGTCCTTATCAATGAGACGGAGGACGGCTTTCTTCTTCTG
GTTGGTACTTATACCCGCATCTAGGGCCTTT

>trans_s_11014AB331308|Tofieldia calyculata chloroplast psbA, rpl2, trnH genes, partial cds and complete sequence

TGCCCCACGTCGACTCGCCGTGTAGTCTGAATTTAGAAGTCAACAAGCATAGATTCAGAAAAGATGCTCATCA
TCTCAATCAACTAGCTAATCAGACGCGAGCCC

>trans_s_11015HM122721|Malus x domestica WRKY domain class transcription factor (WRKY2) mRNA, complete cds

AATGGGAAGACTAACATAGAAAATACATCAGGATTGAGCACTACTCCTTCACGACTTGGAATGGTGCTGTTG
AGAGTGGAATTGAGTTACCTTCAGTGAGACAA

>trans_s_11016XM_002885452|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRPABC24.3, mRNA

TGAGCACCAGTTACTTACCAATGAAGAGAAAAAGACACTACTTGAGAGATATACCGTGAAAGAAACACAGCT
ACCACGCATACAAGTGTGGCTGGGTCAACGTGC

>trans_s_11017DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

GTAACGATGGCCACACTGTCTCCTCCCGAGACTCAGCGAAGTTGAAGTGTGTTGTGAAGATGCAATCTCCCCG
GGCTAGACGGAAAGACCCCATGAACCTTACT

>trans_s_11018XM_002312723|Populus trichocarpa serine/threonine protein kinase PBS1, mRNA

ATGCTTGTTGGGAGAAGGGGGTTTGAAGGGTTTACAAAGGTCGCTGGAGAGCACAGGACAGGTAGTGG
CTGTGAAGCAGCTTGACCGTAATGGTCTTCAAGG

>trans_s_11019NM_001073239|Oryza sativa Japonica Group Os12g0443700 (Os12g0443700) mRNA, complete cds

CCACACCATTTATTAGGAGTCGTGAGTTCCTATGGCAGGAAGGGCATACTGCTTTTGCTACTAAGGATGAAGC
AGATACAGAGGTTCTTGAGACGCCTTGGCCGT

>trans_s_11020XM_002958837|Volvox carteri f. nagariensis eukaryotic initiation factor, mRNA

AAGGAGCTTTTGCTCCAAGTTTGCCTTCGGAAATCGTAGTGAAAAGCAGATTGCCGAGCCAAGATCCGAATAA
CTGGTTCGGCTTTTGAATTTTTAGGGGGGACG

>trans_s_11021GU320195|Nicotiana tabacum cultivar Turk ankyrin repeat-containing protein mRNA, complete cds

TGGGCACTCCCCACGAAGGAGATCTACCGTTAGCACCTCATGTTGGTTGTTTAGCTTGGCAACATCGATGG
GAGTCTTTCCATCCAAGTTTTGGAGAGTGACT

>trans_s_11022EF628207|Cucumis melo cultivar LT-4 aminotransferase 2 gene, complete cds

GCATGTTGACACCTGTGGTAGGGAACAAAAATGGAGTGCCTGATGTGGTTTTGAATATCTTTTGACATCCTC
AAGCAGAGTCTTTGTCAGTGCTGGAACAGCTG

>trans_s_11023AM711639|Cuscuta gronovii complete chloroplast genome

CACAGTGTTTAAGCTTCTTCTCCAGGTGGGTTTCTCCAGATTCACTCAGGAGTTCAAGGAATTGGGGTTTTAGA
GACAGACCCAGATGGATTTCTCTTCGTTTCT

>trans_s_11024FJ225148|Triticum aestivum ferritin 2A gene, complete cds

AGGGATTTTATAGTTTTTCTCTCATTGTGGTCATGCTTTTGGAAATTTGTATGCTCGTTGGTTAGGAGTCTAATGG
TTTGAGTAGAGTAGCGTTCTTTTTCCAA

>trans_s_11025Novel Gene

CAGGAAGCAGAACAGGCTAAGAAGACAATCACCACGACTCTGCTGATGGCTACTGCCTGGCCTCACCATCAG
ACTGGCAAGTTGAAAAGGTACTTCATATATCTT

>trans_s_11026XM_002971092|Selaginella moellendorffii serine carboxypeptidase-like enzyme
(SCPLc4-1), mRNA

GGTATGTTACCATTTGATGAGAAACAAGGGAGGGCTCTGTTTTATTACTTTGTTGAAGCACAAACCCCCAGCC
TACTTCTAAGCCTCTTGTCTTGTGGCTCAATG

>trans_s_11027NM_001056460|Oryza sativa Japonica Group Os03g0312600 (Os03g0312600)
mRNA, complete cds

TACTCCAGAACCATTATTTTAAGTTCTTATAGAACTCATCCAGCACAAAGGGAAAGACTCTGACTTAACGTGGA
GGTGTATGAACTATCAGAACTGACGGCAGCT

>trans_s_11028Novel Gene

GAGGCAGAGCTCAGTCTCTCTCAAGCTAACGAACTGATTGTTGGGCATATTCAGGCCAACTGCTTCCATATAG
AATCAAAAGAAAGCTTTTATGAACTGTCGT

>trans_s_11029Novel Gene

ATTCTGGTGTATCAGTGGTGTGCGCACCGATTGGGCATACAGCCGTTTTCGAGGGCGCAGTTCTAGAGGG
GGAGCGGCGGGAGGGAGTAGATATCTTTTGCGA

>trans_s_11030NM_001069886|Oryza sativa Japonica Group Os09g0454300 (Os09g0454300)
mRNA, complete cds

ATGAAGAATCGAAAATAGATTCTAATAAGAGTGAATGGGGCGCCCTCTTGGCTCTCAATAGACGCTTTACTTT
ACTCCGGATCCGAGGGTTTTTCTTTTGCCA

>trans_s_11031NM_202089|Arabidopsis thaliana methyladenine glycosylase family protein
(AT1G13635) mRNA, complete cds

TGGTGTACCACACTTGGTTCTACCGATTCCATTTCTGGTATCCAATTGTGGAAAGATCAAGTTGCATGTCCTG
GTCATGAATTGAAGATAAATCAAGCTGCATC

>trans_s_11032AY029172|Helianthus annuus EGF receptor-like protein mRNA, partial cds

AGAGCAACAAGCTCAGATTGGGAAGGGATCAAGGGGTGACGTAACCATATTGCCAACTCTTGTGGTCAATAA
TCGACAGTATCGAGGGAAGCTGGCAGTTACTGG

>trans_s_11033Novel Gene

CTTGGTATAGACTTCACCGGCACCAAATCGTTCCCGTACGGTCATAATCCTCAGTCAATCAGTCACAGTGTGTC
ATCCTCTTCGATCGAGGTCGAGACAACATTG

>trans_s_11034AB531023|Malus x domestica MdVOZ1 mRNA, complete cds

TCGTCGTCATCTTGCCTTTAACTTGTTGTCCAAGCTCAACAGGGCCCTCTGCTGTAAGCCTTCCCATCTTCTTCT
GCAGATCAGCCAAAGGATCCGCTGCCAATT

>trans_s_11035EU436653|Vitis riparia genotype PI588259 phytochrome A (PHYA) gene, complete
cds

CCGGTTATGTGTTTTTTTTGGTTGGATAAGCTTCCCTTCTGTATGTGGTGGAGATAAGCTGTTGTAACCTTGTG
TGACCTAGGTTGGTAGTACAGGAATATTCA

>trans_s_11036AF128453|Glycine max gamma-glutamylcysteine synthetase precursor (gsh1) mRNA,
partial cds

GCGAATCACAAAGCAAGGCCTGCTCGGAACTTTTTGATCATGTCAGCCTCTGAATCAAAATCTAGATTAACCTG
CACAGTACACGTCCTAAACATCATATCCAGT

>trans_s_11037Novel Gene

AACAAACTCTAGGCCACTCTCCTGCTAGCCACTTACCCAGAATTCCATCAACACTAAGGAAACCGATCATATCA
GGTAGTGTTACAAGGTTCCCGTTTCAGCTCA

>trans_s_11038AL161560|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 60

TTGACTGTGTTTAATTTATATTTAAGAGAGATACTTATCAATCTTGAAGTTATCAATGTATTTTCACTTTTGTTC
TATACAACACACAAACACATACATGCGTC

>trans_s_11039U12735|Glycine max aminoalcoholphosphotransferase (AAPT1) mRNA, complete
cds

GATGCTTTACCATTTGTGGTACTTGTGCGGAGGAGTCTTAGCATGGGATTATTTGTCACCTTCTGACTAATAAC
CTTCGATAGGTGTAGACCAATATTGACCCCA

>trans_s_11040Novel Gene

CAAACAACCCAATCTCAAAGCCTAGTGTGGAGACCAAACCTACAAAGCAATCAAGAAACCTCGGTTCTGATGT
TAGTAGTGGAGACGACGGCCATACGCGACAGG

>trans_s_11041AY221087|Solanum tuberosum cellulose synthase (StCesA3) mRNA, complete cds

ACTACATAAACAAACAGCAAGGCATTGAGGGAAGCAATGTGTTTTATGATGGATCCAAACCTTGGCAAATATGT
CTGTTATGTTTCAGTTTCCTCAAAGATTTGACG

>trans_s_11042XM_002301129|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AACCTGGGCATTGTGGCGCTAGCAGAACGATGCAAGCTCTTGAGGAACTGCACATTGATGGATGGAAGGCA
AGCGAAATTGGTGA CTCTCCCCGCTTAGGCCCC

>trans_s_11043AB364643|Citrus unshiu ARF mRNA for arabinofuranosidase, complete cds

CGTGTGAATACACTACACCGCTTCAAGGGATCTCAAAGTACGTTAAGACCATCCATGCCAAAGGCTGTGCCAA
CGTCGCGTGTGTTGGGGGCACGCTCATACTTA

>trans_s_11044NM_100834|Arabidopsis thaliana ATP binding / aminoacyl-tRNA ligase/ leucine-
tRNA ligase/ nucleotide binding (AT1G09620) mRNA, complete cds

ACGGTGTCTGGGTCTAACCACTAGTGTGTGCTCAAATCCATGCTTTGTCTCATCTGAAAACATATCCATGCTAG
CCAAGCACTCTTCAGATGGTGGGTGCCCCG

>trans_s_11045Novel Gene

GAAGGCGAGATTTTAGATGAGAAAGAAATACTAAGAGAACAGAAGATCCCAATTACTGAACGGGTTTCCCAG
TCTAGCACGATATCTACCCCGGGTGAATCATTT

>trans_s_11046Novel Gene

GGATCTAGACCTTGCACTCCGCGCCCAACCGGATCCCTGGCTGAATCTTAGCGTGAAC TGGGGTCAGTCCCGT
CGAGGATGATCATAAGACCGTAGAAGGGACAC

>trans_s_11047NM_111071|Arabidopsis thaliana KUP3 (K⁺ UPTAKE TRANSPORTER 3); potassium
ion transmembrane transporter (KUP3) mRNA, complete cds

AGAAATGTTGTACGAACATAACTGTCATGCAGGCGAGTCCATAAGCATTTCCAATCAGTGTCTGTCTCGAA
ACCCTATTGTAATGGAAAGAGTGAGGACCATT

>trans_s_11048XM_002892459|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glucose-6-phosphate
dehydrogenase 4 (G6PD4), mRNA

TTGGTCTGAGATCCGTGGGTATTTGAAATGTGTCTCTGTTGTTTATTCCTCGACCCATCGAACTCCATGTTTTGCC
CAAAGATAATAAGCTCCGATAGGACCTCTG

>trans_s_11049Novel Gene

CATTAGCCGGGGAGCCGAGAACGAGAACGACGACAAGAAGAGGGATGGCCCGAACGCACGAGTCGACACA
CGCACGACAGTGGGTACCCTATCCCACTACAACCC

>trans_s_11050Novel Gene

ATTTTGCCGAGTTCCTTAACCATAGTTATCTCGTACGCCTTAGTATTCTCTACCTGACCACCTGTGTGCGTTTAG
GGTACGGGCAGTTTGAACCTCGCGCCGAT

>trans_s_11051EF590882|Lagenaria siceraria voucher USDA PI271353 acetyl-CoA carboxylase-D
(accD) gene, partial cds; chloroplast

GTGTAGTGTGTGCTTCGGGAGGAGCACGCATGCAAGAAGGAAGTTTGAGCTTGATGCAAATGGCAAAAATAT
CTTCGCTTTATAAAATTTTGGGGGCCCCCC

>trans_s_11052NM_106405|Arabidopsis thaliana DNA binding / transcription factor (AT1G77570)
mRNA, complete cds

TTTGAAAATGAGTAGTTCAGATCTCCGATCCAGGGGTCGGTCGAACTTGCAGGTTTCAAAGCGTTCGTCCTCA
CGTTGAGAGGGTTCGAAACGGACTAAACTAA

>trans_s_11053XM_002891188|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase ND2, mRNA

ATATTGTAGCCGTCGGGCCGCCAGCGAGGGTGTAGCTCTAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTG
GATATACCAAGAATCTACGCATTGAGCCAC

>trans_s_11054AB297387|Cucumis melo var. cantalupensis ETR1 gene for ethylene receptor,
complete cds

ATTAGAACTTCAACTATCCTATACTCTTCATCAGCAGAATCCAGTGGGATATACTGTCCCATCAATCTCCCTGT
GATCAGTGATGTGAAAGTATTCGCGATTG

>trans_s_11055NM_179410|Arabidopsis thaliana vacuolar protein sorting 55 family protein / VPS55
family protein (AT1G32410) mRNA, complete cds

TATGTGCTTCTCCCATGCCTTTATTATTCTTTGCGGGGTCAGATAGTTCTTCGCTGTATACTGATTCTAACGAT
AGCTGGATCAATGCGACAAAATCTCCAGT

>trans_s_11056NM_128156|Arabidopsis thaliana KH domain-containing protein (AT2G25970)
mRNA, complete cds

CATCACTTCCCCTTCCTCCGATTCCGCTCCCTCCTACAACAACGTCCCACCTCCTATGGATGAGATCCAGCTCGC
TAAGCAGCGTGCTCAGGAGATTGCCTCTC

>trans_s_11057NM_001065943|Oryza sativa Japonica Group Os07g0295800 (Os07g0295800)
mRNA, complete cds

GGGGGCATTTCGATTTTCATCTTTTGTGTTAATGTACTGAAGACGCGCGTGGGTGGAAACCGCAGTCGGGAAC
GGATCAGGGTGACTAGTCCACTATAGTAAAG

>trans_s_11058XM_001782730|Physcomitrella patens subsp. patens nucleosome assembly protein
family (NFA1501) mRNA, complete cds

GTGTGTGCAAAGTTGAGTGACAGGTTGGGTACCATTAGAATAAACATTGCCTATGCTGACACCAACGGGGT
GATCTATATCATCTTGTTTCAAAGTAGGTCCT

>trans_s_11059NM_001052799|Oryza sativa Japonica Group Os02g0209100 (Os02g0209100)
mRNA, partial cds

GCTCTGCATGGAGAAACAGATCATTTGGTTCCGCTTTGGAGTTTGTGTTGGTCGGCTGATGGAGAATATGCTG
TGAGAGAAAGTACATCGAAGATCCTCGCCCC

>trans_s_11060NM_118947|Arabidopsis thaliana binding (AT4G28080) mRNA, complete cds

GAACAAACAACACTCAATATACTCAAAATCAAACCTGGAGAAGAAGACCTTCGCACTCAGGATGCGATCATAC
AATCAAATATAAAGCTTAGCTTGATCCAGCT

>trans_s_11061U32511|Mesembryanthemum crystallinum myo-inositol-1-phosphate synthase
mRNA, complete cds

CAGTAAAACGCAAATGATCCTTGTGCAACTTGACGATACTTGCTACGACGCTTCAACAGTTCACAGTTCTCAG
GTAAACGAATCCACTGTGAATGTCGAATTC

>trans_s_11062XM_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family protein, mRNA

ACTTGTTCTGACTCGTCCCACATCTAATAAAATGGTATTCATGCTGGGGTCTTACTTCGATACATCCCTCTAACAG
CACCCCTCCGTCACTTCCGGTGCGACACA

>trans_s_11063U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

TACGAGGGCTTGTACTTTTTCTTGGGGTCATATTTGAGTTCGAGTGAGGATCCTGACATTCACCTCAAGTACAT
CGAGTCTGCTGCTAAACAGGACAGTACGA

>trans_s_11064Novel Gene

AGTTAGAATCGAAGTATCGACTGAGAGTGATCGGAAGTCCAGTGTGAAAGGGGTTGTCAGTGAATTTGGAGA
TTAAGCAATCGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG

>trans_s_11065NM_125154|Arabidopsis thaliana heat shock protein-related (AT5G57710) mRNA,
complete cds

TCACACTTGGGTCATCAAGAATCGAGATAATCAACTGTTCAAGCTCAACTTTGACGGCTAAGAGTGGCTGCTG
CTGTTGCTCCGGGCAACGTGGGCGTTGGTGA

>trans_s_11066Y15423|Pisum sativum pseudogene homologous to lipoxygenase

TGATTTTCTCTGCAATCACTGATCGTCGGATGGGTAAGTCAAGTTCAGATGATGAGGAGAGTCCGTAGGTAAT
CAGTTGTTGAAAATATGTCCAATGTGATTTT

>trans_s_11067XM_002878302|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S13, mRNA

CGGTATTACAAGAAGACAAAGAAGCTGCCCCCTGTCTGGAAGTATGAATCCACCACAGCCAGCACCCCTCGTTG
CTTAGAAGCAGAAAAAACTACCGGCAATTT

>trans s 11068XM 002867056|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AATGCACTTATCACTGCATGTGGTCAGTCAGGCGCGGTGGATCGTGCTTTGACGTGCTTGCAGAAATGGGG
GCCGAGTTACATCCTATAGAGCCGGATCATAT

>trans_s_11069NM_001052670|Oryza sativa Japonica Group Os02g0188500 (Os02g0188500)
mRNA, complete cds

AGAAACGTAACGATTGAACAATCTGAATTCCATTCATCCAACCTCCGGACGTCTCGAATCTGCTCAAGCCACTT
GTTGTTTCGTTGTTGAATCTGATTTTGTTT

>trans_s_11070AY640053|Corydalis saxicola 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTTGACGCTTACCGAGTAATTTAGTCAATATCAAACAACTACCATAAACTGTACCTATTGGCACCATTAAGAT
CTCGATTATGTACGTACAAACCCCGACCCT

>trans_s_11071FJ643600|Actinidia latifolia GDP-D-mannose pyrophosphorylase (GMP) mRNA,
complete cds

AAACTGGGGTGACGATGGCTACTTCACTCGTTCTCGTTTACAGATGTACACACCACAACGTGTCCACATCCTGC
GTTTTGCACAACTCCGAGACGTCTCTTGTT

>trans_s_11072Novel Gene

CACGTAAGTGAAGCACATGGCTATTACAACATATAGCAACAATAACACCGGAGATAACAGAACTAAAGGGA
AACTACTAATGTGGAAACATGTAACTTCTTT

>trans_s_11073Novel Gene

GAATCAAGCTCTCTGTTTTCCAAATCTTATGTGAAGCTGCTGATCGATTCATCAATGGATTAGAAATCAGATG
TCCGACTCGATCTGGGCAGGTCTTCAGGCC

>trans_s_11074NM_001052112|Oryza sativa Japonica Group Os01g0978100 (Os01g0978100)
mRNA, complete cds

TGGTAGGTAAGACTCCCATGGTCTACCTGAACAATATCGTCAAGGGGTGTGTTGCAAATGTTGCTGCTAACAG
GTCCCGTCGTTCCAACGTGGTGTGTGGA

>trans_s_11075XM_002881831|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATMPK20, mRNA

AATGCATGGGACCTCTAACATAGATTAGAAGGAGTTCCAAGGAGATCCGTCATCAAATCGAGCTGGTGTACA
ACATTTTTACCAGGAAAAAGTGGTTTCCCAT

>trans_s_11076XM_002892101|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase interacting family protein,
mRNA

GAAAAGAATTTACTTCTTGAGAACTCATTTTCTGATGCAATTGCTGAACTTGAAGCATTGAAGGTGAAATCAAA
GGATCTAGAAGATTCCTGCCAACGTGACCC

>trans_s_11077XM_002969120|Selaginella moellendorffii ATP-binding cassette transporter,
subfamily I, member 12, SmABC12 (SmABC12), mRNA

CCGATGCAGATTTCCTTATTTCCGAATCAATGCTTTGGAACTGGACAATTTGAGAGAACTTTGATTGTTGC
TGATGACAGGAGTTTTGTAGAGATAAATCT

>trans_s_11078Z50099|S.tuberosum mRNA for transketolase

ATGGGTCATATTCTTTACGATGAGGTCATGAAGTATAACCCAAAAACCTTACTGGTTCAATCGGGACCGTTT
CAAAAACCTCCGCCAAGTTACCAACATGTGG

>trans_s_11079AY105393|Zea mays PCO114261 mRNA sequence

GGTAGAAGGGTTTTTGTACAAGTATATGAAAGGGCAAGTTTGCATAGTGTGTGTATGCCATGGAAGCTTTCTT
ACTCCAACCTGAGTTTGTGAACACGTAGTTGT

>trans_s_11080EU078902|Medicago truncatula beta-glucosidase G2 mRNA, complete cds

AGGGCCGAGTTAAATATCATCAACAGCATCTCATTAAACTCCACGAATCAATCAAGGCTGAAGTAAATATAAA
AGGATATTTTGCATGGACCGGCGGTTTCATCG

>trans_s_11081Novel Gene

ATCGTCCCTTCTGCCGGGCTATATAGAAACCGGGAAACAGTATTAACTACATTCTTAATATCGTATGAAACTC
TCCCCGAGACATCTGGGATGGATTTCGTAT

>trans_s_11082XM_002869248|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family
protein, mRNA

TGAGACCGTCAGATCTGATGAGGGCCATTGTTCTGTATTTCTCCATCTGAGTCCAATCGTGTTAGAGAAGG
CTTCTCTCTCTCTTTCTTCTTAAAGACCT

>trans_s_11083AY919623|Populus trichocarpa class III HD-Zip protein 8 (HB8) mRNA, complete cds

GAAAATGATGGCGTTGATGATGTTACACTTCTTGTAACATGTCTCATGGCAAGACAATGATGGGTGCAAATA
TTTCATATTCTAATGGCTTTCATCCATGAG

>trans_s_11084NM_001060678|Oryza sativa Japonica Group Os04g0660400 (Os04g0660400)
mRNA, complete cds

TCAACACACTGTATGATCCATTTAGGAAAGGAGCAGATTTTGTGCGTGTTACCCATTTAGCTTAAGAAGTGG
GGTTGCTTGTAGTCTGTCATGTGGACTGTGG

>trans_s_11085Novel Gene

AACAGCATAGAGCTTGGGAAGCTCGGACCAAGGCATCCTTAATCTTGTCTCTTTCTGACCTAGACCTCTGATCT
CGTTCTGACCATGCTGTTGGGGGAGCGGG

>trans_s_11086EU605850|Oryza sativa Indica Group isolate Ba9 mRNA sequence

CCTGGAGGAGACTTGCATACCCTAAGGCAGAGGCAACCAGGGAAGCATTTTCCCGAGCAGGCAGTAAAATTC
TATGTAGCGGAGGTTCTTCTTGCACTGGAATA

>trans_s_11087AM116756|Coffea arabica mRNA for alpha galactosidase precursor (gal2 gene)

GCCGGGGATACCTCCCTCCGAAGTAAGGCTCTGTTTCACCGGAGCATGATTTTGTAGGCTGGCTCCAGTCTCT
GCCAATGTAATGGGTGGGGGAGATTCCGAGG

>trans_s_11088Novel Gene

ATTGTTCGAACGTAATGATCCAATTATCAAAACCATGAGTGGATGATGAACTTTGAGGTCCTTGGTTATTGCCT
CCTTACCGTCTTGAGCAGGAGAAGCCTTA

>trans_s_11089GQ998444|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 cytochrome c
heme attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

ATCGCCGAGGGATAGGGCTACATAGTTATGGTTCATTTACATTAACATCTGGCCAGGCCTGCCTGTCTTTCCCG
GACTGCTTGTGTTTGTGTTCTTTTGCGCTC

>trans_s_11090XM_002881011|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-7 chain (TUB7), mRNA
TGGATTCCGTCAGATCCGGACCCTATGGCCAGATCTTCGTCCTCCGATAACTTCGTTTTTGGTCAGTCTGGGGCT
GGCAATTTAACCCGATTCCCTCACTACGTC

>trans_s_11091EF595927|Cucumis hirsutus isolate 2007-B20 tRNA-Gly (trnG) gene, partial
sequence; chloroplast

CACTTTCATAAGCATCGGTATGGCACAGCCCTCATTTGACATCTCAGGCTATGAAACCAAAGTTTCACGTTCCG
TTTTGAAAATCCTTGTTTGTGGGTGTTTGT

>trans_s_11092BT021143|Arabidopsis thaliana At5g20130 gene, complete cds

GCAAAGGGTGAAGTGTGCTTGCTGTTATTTTCAACCCACTGCTTTATGCTTTCGAGGAACAAGAAATGGATT
GACTTCTGTAAGTCTCCCCCCCCAGAGG

>trans_s_11093XM_002878457|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mediator of aba-regulated
dormancy 1 (MARD1), mRNA

GAAAGAAGAAGAAGATGAACAACAATGACTTTCTTAGATTTTGTATACTTGCAAGAATGATCTTCAACTCACC
AATGATATCTATATTACAGAGTGAGAAAG

>trans_s_11094GQ998373|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 clp protease
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

CAGACGATCTAGGATATAAAAGATAAGGAAGCGACAGAAGGTAAAAATGAATTCCATTGTGGAGCCGTATGC
ACTGCACACGTGACGCCTGCGTACAACACGGT

>trans_s_11095XM_002328943|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP97A7), mRNA

CCAGCTGATGGAGAGATATGGCGTGACGAAGGCGGGCTATAGTCCCTTCGTTGCATATGAAGTATGTAGGA
GCTATGATTAATCTAAACCTCTTCGGCGTCT

>trans_s_11096NM_001068821|Oryza sativa Japonica Group Os08g0524200 (Os08g0524200)
mRNA, complete cds

CTTATGATCCTTGTTTGGCCTCAAAGCAAAGCAAAAACCTGAAGAGTTCCTAAGGCGAACAGAGCAATCCCA
ATGTTGCGATGAGTAGTGTATCGAAGTGCAG

>trans_s_11097NM_001064692|Oryza sativa Japonica Group Os06g0639000 (Os06g0639000)
mRNA, partial cds

CATGAAATGAGTTGGCACAGAAATACAACATGCTAACACAAAGGCATCCAATCCAAGCAAATCGATAAACAG
CTGAGTTAACGATCAGTGGGTACACAAGTACG

>trans_s_11098Novel Gene

AGAGCCACTTAAACAGTATAAGACCAGATGGAAATAACGATTTGCCTTCTGAGGATAACTCAAGTCAGGAGTC
TCAAGGTTATCATTTGGAATCTGAAAGACTA

>trans_s_11099XM_002882828|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase family protein, mRNA

TAAACACAATCCTGTCTTTCTGTCTTCATTCTGGGAGTTAGAGTTTCAAGGTGGAGCTAGACTGTTCTTGCCCCCT
TGGTATAAGTGAAACTGTTGTTCCGGTTT

>trans_s_11100BT005979|Arabidopsis thaliana At2g33420 gene, complete cds

AGAACACATGGCTTGGCAAAAGCGTTATTTGAAGGTTCTCGAAGTAGGACTTCTATTGCATCCTCACATGCCAT
TAGAAAAGACAGACGACGCTCCAAAACGTT

>trans_s_11101AF195028|Glycine max plasma membrane Ca²⁺-ATPase (SCA1) mRNA, complete cds

GGATGGTTCGTGTAAGATGGTTGTGACTTCTGTTGGCATGAGAACCCAATGGGGAAAACCTGATGGCCACTCTT
AGTGAAGGAGGTGATGATGAGACTCCTGACA

>trans_s_11102HM440161|Camellia sinensis lipoxygenase mRNA, complete cds

GCCAGATCTGTCGAAAAACCCCAAAGATGGCAAACCACAATGGAAAGAAGTTTTACACCCTTTGGGATGCC
ACTAGTGTCTGGTCCACCTCAGCCACCAAAC

>trans_s_11103CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

GCAGAAATTTCTTTTCGATCGTTTCCTTCTTAAATAGAATGGAGGGGATGGATAGGTTGACATTCTCGTTTAC
TTCTTTGATGCTTTAATTTCAGAAGAACAT

>trans_s_11104NM_001123987|Arabidopsis thaliana TOR (TARGET OF RAPAMYCIN); 1-phosphatidylinositol-3-kinase/ protein binding (TOR) mRNA, complete cds

ATGTGATGACAGTTCCTCAACCAGTTTCAGATCTTTGTGGTTCATCTTGTGCAGCTTGCAATGCAAACACTTG
CTCGTTTTAACTTCAAGGGTGTACTACTCC

>trans_s_11105NM_001054510|Oryza sativa Japonica Group Os02g0724000 (Os02g0724000) mRNA, complete cds

GGGCGCTTTGTCAAAGCCGGAGAAGCTTATGACTATGATCCATTGAGTCAAACCAGAAGCTACTGAAAGTTCA
ACTTTAGGATTTCAATGAACACGACTGAGTT

>trans_s_11106AF170087|Cucurbita pepo silverleaf whitefly-induced protein 3 (SLW3) mRNA, complete cds

AAGAAATATTACAGAGACCCACCCATCTACATAACAGAAAATGGATATCTTGACTATGATTGTCCCAACGTTGA
GAAATTAATCAAGTCGTCTTTAAAGACCCC

>trans_s_11107XM_001697749|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GATTTGGCTTTTCTGCTCATTCGTTAGTTTATTTTCAGACACCTTTGAGGTTTCAGATCCTTATGGATGTTGTCTAT
GCCTCACTCTACGGTGGGTTACACCCCC

>trans_s_11108Z97337|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 2

GGAGTCCATCGTGATCGCTGTTGTGCCATCAGCCATGAGTGAAAAGGATCAGAAAGGAGCTGTGGAAGCAG
ATCAAGATACTGTTACCCCTGGGGAGGACTCT

>trans_s_11109NM_001071922|Oryza sativa Japonica Group Os10g0561900 (Os10g0561900)
mRNA, complete cds

GTTGTTATCTGCTATTTGGTGAATACAAGCAAATGACGCCAGATGAAGCTTACAAGCATGTGAAATCAATCA
GGCCAAGGGTGCTTTTAGCATCATCACAGTG

>trans_s_11110NM_001061832|Oryza sativa Japonica Group Os05g0357600 (Os05g0357600)
mRNA, complete cds

GTGGCTGTACAGTGGAGGATTTCTGCAATCATATCCACAGGAGTTTGGTTAAAGATGTCAAATACGTGCTTGT
ATGGGGTACAAGTGGGTCCGTAATAAAAACT

>trans_s_11111NM_127816|Arabidopsis thaliana UCP5 (UNCOUPLING PROTEIN 5); binding (UCP5)
mRNA, complete cds

CAGTTGTATTAAACATGGCTTGATAACGAAACTCGCCGTCACGTGTGTCCCCAGTCCGTCCTTCATCAATCCCTT
CTGCAGAATCGTCTCCTTGATCTGATCGT

>trans_s_11112XM_002888805|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mate efflux family protein, mRNA

CGCATGGGGCTACCAAATTGGACAATGGGTTTGATAATGTTGGGCATGAGGTGAATGAAGAAACAGAAACTG
TGACTCTTGCTGATTCTCCATCATTCGGTCCC

>trans_s_11113XM_002958627|Volvox carteri f. nagariensis NADH:ubiquinone oxidoreductase 49
kDa subunit (nuo7), mRNA

AAACCCCGACTTCTGAGTGTCGGATCATTGTGCAATGTCTTAATCAAATGCCTAGTGGGATGATCAAAGAAA
GCAGCTACGGATCGCACTTCTTGCCACGATC

>trans_s_11114AY022852|Oryza sativa microsatellite MRG5177 containing (CGG)X8, closest to
marker C37, genomic sequence

ATTGGACGGTACCATGCTTTATCGACATAGGTCTTTGCCCTGCCCCCGCCAGGCCGTCCATCCCCTTGCTAGG
TGCCCGCCCCAATAAACGCGCGCCCCTATT

>trans_s_11115AF213399|Nicotiana tabacum SLT1 protein mRNA, complete cds

CCCGTCCTCTGATATCAATTTACCATTGTCAACTGAATGCAGCTACACTCTGCAGCCATGGAATTCTGATCACT
GTAACATTTTAGATGTTGGACTTGCTTCA

>trans_s_11116FJ895886|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf2 (ycf2) gene, partial cds;
chloroplast

ATCCTTTTTTCTGTCGTTAAGGTGGAGAACTGAATCAAGAATTCTCTTTCTTTATCATCAATCGAATCACTGTTC
GAGACCCAGGATTGGATTTTCTCATCAAT

>trans_s_11117XM_002882828|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol-4-phosphate
5-kinase family protein, mRNA

CATGAACAGGAGTGCTGGCAAGGATGATTATGATGGTGCATATAAGTCTGATACTGAAGCAAGCCATTACCT
CAAGCCATAAGTTACTTTGGTCAACCCGAAT

>trans_s_11118Novel Gene

TTTCGTTTATGCATGTCGATAACAACCTCCTCGGTACAAGGAAGATGGACCGACTCTTCTATCTGCTTTGAGACC
TCACTTGAAACAGGTTCTTCATTTCCAAT

>trans_s_11119BT015784|Arabidopsis thaliana At5g14200 mRNA, complete cds

CAGAATACCCTGATGTCGAACTCTCGCACATGTACGTTGATAACGCTGCGATGCAACTAATTCGGAACCAAA
ACAGTTTGATACAATTTTGACAAACAACACG

>trans_s_11120EU584298|Pseudopeponidium sp. 2 Razafimandimbison 514 18S ribosomal RNA
gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal
transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAAGGAGAGGAGCGAGACTAGAGGAAGAGAAGCTGGGAAGAGGAGGCCACAAGAGGAACTCCGCTCTC
CTCCCGCAAAGACATGGTCTGGAATGGAAGTTTT

>trans_s_11121XM_002892806|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein-protein interaction
regulator family protein, mRNA

ACGTCGGGGATTTGTTTCGACCTGGGGAAAGAAACGATGCTGAAGACCAGCTCCTGCTAAACGGCGGCTATC
GTCTGCTGTTACGCCGATGGCGGAGCTACCGG

>trans_s_11122Novel Gene

CAGCACAAGCATTAGTGCTCCATCTGAAACCCTAGAATCAAAGACATATCTTCAGGCAGCTCAGGCTGATGGG
GAGTTTTCTAGGATAACGGGGCCCGCTGAGCG

>trans_s_11123EF135616|Rhizanthus zippelii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AATCAACACTTTAGTTCAGGAATTTTATGGGCTAAGGGAAAGCTTGTTTCGCGCTGTCGCGCTATCAGACGGGT
TTCCCCGTCTCTTAGGATCGACTAACCCAT

>trans_s_11124NM_115724|Arabidopsis thaliana TTL4 (Tetratricopeptide-repeat Thioredoxin-Like 4);
binding (TTL4) mRNA, complete cds

AGCAGCAATGGCAGCTGGCGCAGATTTCTCTCCGAGCTTGTTGCATGTAAAGCCGAAGCCTTTTTGAAACTC
CATCAGCTTGAAGATGCTGACTCCTGCCTAT

>trans_s_11125GQ998376|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 NADH-plastoquinone
oxidoreductase subunit 2 protein (ndhB) gene, complete cds; chloroplast

TGAAAGCCTTTCATTTGCTTCTCTTCGATGGAAGTTTTATTTCCAGAATGTATCCTAATTTTTGCGGATATTCT
TCTTCACTACTAGCTAAATTTTCTCTCG

>trans_s_11126XM_002887639|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C2 domain-containing protein,
mRNA

GGCTCTCGGTGCTTTAGTTAATCATGAAGGTAATGATACATCAAGTGCTGAGCAAATGGCAGAAGCTGGTGCT
ATAGATGCATTGGTGGAAAGGAGCCCTTCTT

>trans_s_11127NM_115589|Arabidopsis thaliana EIF3E (EUKARYOTIC TRANSLATION INITIATION
FACTOR 3E); translation initiation factor (EIF3E) mRNA, complete cds

TGGAGACTTCTCTCTAGGAAGACGCCGTTAAGTTCAACTTCTCAGCAAGAACATTCATATCAATGCGCTGATGT
ATTCTGCAGTAAGTCTCGAAGATGAAAAGG

>trans_s_11128XM_002323449|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,
ABC transporter family, mRNA

TGCCCTAATTGAAAGATTCTATGACCCCATTTTCAGGAGAAGTTCTACTAGACGGACGTGACATAAAAACTTTG
AAGCTGAGATGGTTAAGACAGCAGATAGGAT

>trans_s_11129AB063192|Cucumis melo CmEIL2 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

TGGTCAAACACATTTGTGGTACCACGATTTTGAATACGGGCACCACAGTTAGGATACAAAAGCAAATTATTTA
AACCCCAGTATCGAAGGCTTGAAACCACTTG

>trans_s_11130XM_001702717|Chlamydomonas reinhardtii component of the exocyst complex
(EXO70) mRNA, complete cds

AGAACGGGCCCCAACTTCTCCAGCAGCATTCCCAAGGACTGAGAATACCATTGACAGCAAAGAATTGCTTACA
AGTATCAGTGCCTGAAATCTGATGAAACAGA

>trans_s_11131Novel Gene

GGTAGAGTAGGTGAAAGTTTCTGCAAACTTCAAGCATTAAGATGGAAGATTCTTTCAACAATCAAGACGACG
AGGTCTCTCTCGGAACGTCCCTCCCCTTTG

>trans_s_11132NM_124028|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT5G46580) mRNA, complete cds

CAAGAAGTTTGTTCGATGAAATGGTTGAATCAGGGATAACGCCAAATGAGAAGACGTTGACTGCTCTGGTTA
AGATTTATGGAAAGGCGAGGTGGGCAAGAGAT

>trans_s_11133NM_001123748|Arabidopsis thaliana AAA-type ATPase family protein (AT1G02890)
mRNA, complete cds

AAGCACTAACAATTGAAACCGTTGAGAAAGTTGTAGGCTGGGCTTTGAGTCACCATTTTCATGCATTTTTCTGAT
GTGTTGGTGCCTTCGTAGCCCAGACGACGG

>trans_s_11134AY628140|Gossypium hirsutum cultivar Acala SJ2 trehalose 6-phosphate synthase
gene, complete cds

AGTAAGCAAAGGGTTGGTCGCAGAAAAGGTTCTCTCAAGAATGGTGGATAGTGGAAGACCACCTGATTCGT
GATGTGCATGTTCTCGTCGCTCGACTCGTCCT

>trans_s_11135Novel Gene

CAGAGGAGTGGTTTTAGAGTCTTCCGAGAATCCAAAAGAGGTGAGCCGGTGAGAAAAGTGGAGCGGAGGTG
AAGATGATGAAGCTTGATAGTCAAGTCCATGTC

>trans_s_11136NM_001066804|Oryza sativa Japonica Group Os07g0615400 (Os07g0615400)
mRNA, complete cds

CATGCTGAAGCAGCTTTAGCCATCCAAACAGGCAATGCTAGAGTTGTCTGTGGCAAACCAATTAAGTGTTTAC
AAAACGATGGATTGGTTTTATTGAAGACAAA

>trans_s_11137CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

AGGTTTCGTCCGTCGGGTTCTGGGATCAGAATGAAGCTACTCCGGACGAGCGTCGGACGTAGTAGAAGGATAG
GCGAACCTGACTGAACTTTTCTTTCTTCCTTC

>trans_s_11138Novel Gene

AGCTACGTCCTCTGCTTCTTAAACCTCGAGACCGTCTGAGGGATCTCTTATTTTGGATATTGCCCTTGATTCTG
CTCAATCTCACAGACAAGAGAGGGGATGT

>trans_s_11139Novel Gene

CACCTGACGCTGAAAACAACCACACAATATTCAGGAGGATCAGTTTCAATGACCTTGAACCTCAACACTTCTCAT
TCCTCCCCTCACAAGGAAGAGATCACCCCT

>trans_s_11140NM_001049601|Oryza sativa Japonica Group Os01g0372700 (Os01g0372700)
mRNA, complete cds

AGCTGATGGTGTCTTCATGTCTGGTCTGTTGATCCCGCTCGGTATCCTTTGCCGAAGACGAACTCACTCTCG
AGTTTCTCGAGAGCACCACTGAGAGGGCC

>trans_s_11141AB507446|Dianthus caryophyllus DcBGLUL mRNA for beta-glucosidase like protein,
complete cds

CTACTCTAACACACGACGTCTTGATCTTTGGGTTCAAAGGCCCTCTCCATTTGGAATGAGTCTTGACCATG
AGATGGAAAATCTATAAGCATCAAGTCCCA

>trans_s_11142XM_002891715|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MEK kinase, mRNA

TTGCCTGTCTCTCCATGTTCAAGTCCATTACGGTCGTATGGCCCCACGCACCAGAGCTGTTATCTTTCACCACCG
CACACGTCTTACATGGGGGTGGGTGTTTC

>trans_s_11143NM_123342|Arabidopsis thaliana 5'-AMP-activated protein kinase beta-1 subunit-
related (AT5G39790) mRNA, complete cds

GCTGGTTGGCGTGAAGTCTTTTGAAGCCTATCTCTTCTGAGTCAGCCAGTAATGCATTCAGCTGTTTCG
CTGCTAAGGGGTGAGCCAGAAGTTCCTCT

>trans_s_11144NM_127781|Arabidopsis thaliana binding (AT2G22125) mRNA, complete cds

CTCACTCCACAGGTGTCCACCTTGCCAGTGTCCCATCTGGATCTTCCATGCTATTGCGATCTCTGGAGCCCATCT
TCATAATAGAATGTGGAGTAGGAGGCTCT

>trans_s_11145FJ492951|Rhamnus alaternus microsatellite RaA12 sequence

AGTTCCTGGTTTTGCTGCTGAAAGCCTTGCAGAAGTTTATTTTGCCAACGGAGGTGACTTAAACCTGACTGTT
GAGATGCTCACTCACGCGAGATCCCAAGTG

>trans_s_11146NM_001058592|Oryza sativa Japonica Group Os04g0118400 (Os04g0118400)
mRNA, complete cds

GCTCCGTAGACAAAACCTCAAACACTACACCACGAAACACGCTGATGCCATCCACAGAGGAGGTGGTCAAGTC
ATTCCTACTGCGTCCCTTTGCCCTCGTGAGG

>trans_s_11147AF479105|Juglans nigra 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GTTCCATCGACCAGAGGCTGTTACCTTGGAGACCTGATGCGGTTATGTCAAGGGCCTTCATTCCCGGGACAC
TATCGATCAAGCCGATGCTCTTGAGGCGCTT

>trans_s_11148Novel Gene

AAAGGAAAAGTTGAAAAGACGCTAATACCCTTCTTCTTCATCTTCCCGTCTTGTTGTTGCTGTTGTTCTCTGT
GTGGAGACTCCTATCTTTGGCCCTAGAAG

>trans_s_11149AY235406|Zea mays subsp. mays cultivar EP1 amylose extender starch-branching
enzyme (ae1) gene, exons 19 through 22 and partial cds

ATATCTGCAAAGTTCCGAGTAACATGATACACGCCCGGAAGCCATCGTGGTCGTTGCGGAAGGGGGCTTCCG
TGAAGACGTGTGTTACAACCTCACGCGAGGCAC

>trans_s_11150XM_002307820|Populus trichocarpa autoinhibited H⁺ ATPase, mRNA

ATGACTGCAATTGAAGAAATGGCAGGAATGGATGTGCTTTGCAGTGACAAGACGGGAACACTGACATTAAAC
AAGCTAACTGTCAAGTGACACAGTGTGGTGACA

>trans_s_11151DQ267933|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D-alpha (PLDa1) mRNA,
complete cds

GCAGACACTCATCGGTAGTTTGGTAGAAAAATAAGTAAACCGACTGATGTTCTGTCATCCAGACAAGCATAA
GAACCCTGACCCCTTCACTTGCTTTCTGCTT

>trans_s_11152FJ581424|Glycine max argininosuccinate lyase mRNA, partial cds

GAAAGAAATATTCTGAGCAAATTCAGCTGACACTTCAAGCATTCCCAGTATTGTCTTTACGCTGTCAAATACGG
GTTCTTGTCTTCTGCAAATCACGATTGT

>trans_s_11153Novel Gene

AAAATTTTCCTATTTTCCCATACAAAATCAAGAAATTAGTAATACTTCTTTTCTTTGGGATACCTACCCAATCTCG
ATAAATTTTGGAGACTTTTATGTACTGT

>trans_s_11154NM_001057170|Oryza sativa Japonica Group Os03g0606100 (Os03g0606100)
mRNA, complete cds

ATATCAGGCTTCATCTGCCACAAGACAAACCCACCTGACTCTGCATCTTTGGAGGAATTCGAGTCCTCACCAC
TTTGTTAGCTGTTTCAAACCTCACATGCTAT

>trans_s_11155NM_001065447|Oryza sativa Japonica Group Os07g0153400 (Os07g0153400)
mRNA, complete cds

TCCAGGTCTTCCAGATGATGTTGCACTTAATTGTCTCCTCAGGTTGCCGGTTCACAGCCATGCCGCTTGCCGGG
TTGTTTGCAAGAGATGGCATCAACTATTGG

>trans_s_11156X85038|S.oleracea mRNA for 6.1 kDa polypeptide of photosystem II

CTACAGTCCCCCACAATTCCTTATTTGGTTTGAGCAACAATCTTCTTGGTTGGATTCTGTTGGGAGTTTTTGG
TCTCATTGGGCATTTTACCGGTGGGCAC

>trans_s_11157NM_001084046|Arabidopsis thaliana eukaryotic translation initiation factor-related
(AT1G11480) mRNA, complete cds

GATGACAAAACCTCCATTTCTTGCTCTGCTGCACACATTGGTCGGAATTCGATGAGGATGAAAGGAAGCCTT
TAGGTGGTGTAACCTCCGCGGCGAACTAT

>trans_s_11158Z48674|S.rostrata mRNA for chitinase-like protein

AAACAACCCTCTTTTACCTACAGAAGAGGCATCTGGAAGCAAAAGTTGTTACACTGCACAAGACATAGCTTTA
TTTTTGAAGAAGATTGGTTTCAACAAAACCA

>trans_s_11159AF428333|Arabidopsis thaliana At1g35780/F14D7_9 mRNA, complete cds

CCTGCTCTTCCCTCTCCGCTTCTCGCTCTGCTCCCCGCTCTCATCAGCCCTCCGATGGGATTAGTAAGGTCGTC
TTTGGAGGCCAGGTTACGGACAAAGAGGT

>trans_s_11160Novel Gene

TGCAGTTCCGCCTCCTTCTCCCATGCTGAGTCACAGCAGGCAGCGCCTCGGAAAGCACGGACGAGCCACATGC
AGGGAAACTTGACGTGTGGTTCTGTGTAAAC

>trans_s_11161XM_002866695|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata succinate dehydrogenase 1-1
(SDH1-1), mRNA

AACAGGGTTGCAGAGATTGGTAGACCAGGGGCAAAGCAAAAGCCATTGGAAAAAGATGCTGGTGAGAAGAC
CATTGCATGGCTAGACAAGTATTCTTTGCGTTT

>trans_s_11162FM204663|Silene conica partial xy1 gene for SIX1/Y1-like protein, exons 2-15,
specimen voucher Erixon 70

TATATCTTCCAGATTTTTCCCTAAACATAGTACCCAATATATTATTTAAACCATACTTCTTCTTTGTTAATCTTAA
TACAACTTTCTGTTTTTTTTTTTTTTT

>trans_s_11163M15265|Cucurbita pepo (zucchini) phytochrome mRNA, complete cds

GAGATCAAGACGCATGGTTCTCATATTGAGGTTGGCTCGATCAGGCTTGTGTAAATGCTTGTGCACTGCTTTC
AGGTATGTGGCCGTAACACCCCCACACACC

>trans_s_11164XM_001763140|Physcomitrella patens subsp. patens Qa-SNARE, Sso1/Syntaxin1-type, SYP12A-group (SYP12A4) mRNA, complete cds

CGTGAGGGAAACAGAACGTACTACTCTTGTTGAGAAGCACGAGGCACATGTGAATGAATCATTAACTCGCGT
ATATATATCGATTTCGATGGACGCACATTGGTA

>trans_s_11165NM_001056439|Oryza sativa Japonica Group Os03g0308500 (Os03g0308500)
mRNA, complete cds

CAATATCAGGGATGAGTGAAGAGGAAGTTTCTGAGTATCGGAAGAGTTTGGCTATTCGTGTGTCGGGGTTTG
ATGTTCCCAGGCCAATTAAACAAAACCTTTTG

>trans_s_11166AB029511|Solanum tuberosum PCS-1 mRNA for cytosolic cysteine synthase,
complete cds

CGGGGCTAAGCGATCTGCAAAGGAACTTAGGCAACTATGGAGTCCCAGAAAATAACAGCAGTGAACCTTCT
GCTTCTAACAATCCTCTTGACGACTGCCACAA

>trans_s_11167GQ998080|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 cytochrome c heme
attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

GAAGGTAGAAGACTACTTTTAATCTATTTTCTTTCTTGTTGACTTTTCTCCTTTTGGATCATGATATTATGATT
GTAATGGGTAGTTTCGAGCATTGACTG

>trans_s_11168XM_002874847|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-
containing protein, mRNA

GCACTTTGCAAAACGACGCTGAAGCTGCCGAAAACATTTTCCTTGAGATGAAGAAGACAAAAGTCCAACCGG
ATTGGTTATCATTTAGCACATTAGCTATAAAC

>trans_s_11169NM_001063791|Oryza sativa Japonica Group Os06g0238700 (Os06g0238700)
mRNA, complete cds

AGTGAATCCACGCACGGCGTGAGTGCTCCCTGACGGTCACTCTATGACCTCCTCCACCCCTACTGCAGTTCAG
GCGTACCGGGATATGGGCTGGGCCACACAC

>trans_s_11170M15265|Cucurbita pepo (zucchini) phytochrome mRNA, complete cds

ATTGCATGAAGTATTGAAGGTATCAATCAGTCAAGTAATGATAAAGAGCAAAGGAAAGGCTATCCAGATAGT
TAATGAGACTGTAGAGAGAATTGCACTTAGAG

>trans_s_11171Novel Gene

GGTCACTGCGACCCCCAGTGTAGTTACTCCCATGATCTCAAATAGTAAAGAACTGTAAGAGAAAGTATGAAA
ACAGGATGTAACACGCTTGATATTGCTTCAA

>trans_s_11172NM_001056466|Oryza sativa Japonica Group Os03g0314100 (Os03g0314100)
mRNA, complete cds

CTACGTTCTTCATCGATGCCTCTGGAGGAGGAGCAGGTTCAAATATCTTCTGCTGCATCGCTGGAGGAAGAGT
TGAATATAAAGGCACCACTTTCAGTCCGCCA

>trans_s_11173XM_002885748|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein, mRNA

TCTGCGGCTACAAGTTTTAACTATGCCAATATGTCCATGTCCACGGTAGACTTGATACCTTTTGGACCGT
TTGCACCTCCTGTAAAGTTCAATATGAGTA

>trans_s_11174Novel Gene

GAAAGGTGCGAAGCAGCTCGACTAAGAAGGAATCAATGAACAAGGGTTGCGAGGACTTCCTTATCCAATTAG
AAGGAGCGAAGGAGCGAAAGCGGCTCGACTGA

>trans_s_11175Novel Gene

AAGATCAAACCTTGAACAAATCGCTTCACAATCTCTGCTTCAACCTCCGTTCTTTCTGGCGGTTCTCCCCTTCTT
CAAGCAGCCAAGCGCGTAACAAGTATGCG

>trans_s_11176Novel Gene

ATTGTTGGAACGTAATGATCCAATTATCAAAACCATGAGTGGATGATGAACTTTGAGGTCCTTGTTATTGCCT
CCTTCACCGTCTTGAGCAGGAGAAGCCTTA

>trans_s_11177NM_115876|Arabidopsis thaliana BGLU16 (BETA GLUCOSIDASE 16); catalytic/ cation binding / hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds (BGLU16) mRNA, complete cds

AATTTTACAAAGGATGAAGCCAACTTAGTGAAAGGCTCTTATGACTTTATAGGGATCACATATTATGGAGAC
ATGTCATGCAAATACATGCCTAACAATTGGA

>trans_s_11178NM_001164333|Zea mays deoxy xylulose synthase 1 (dxs1),
mRNA gb|GQ229460.1| Zea mays 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase (dxs1) mRNA,
complete cds

CATGATTGTTATTCTTAATGACAACAAACAAGTCTCTTTACCAACTGCAACCCTCGACGGGCTGTACCACCTG
TGGGAGCTTTGAGCAGTGCTCTCAGACTGA

>trans_s_11179CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

TTCCTATATGGCCTCCGCTGCGTGTCGCATCCGAACGGGGAAGGGGGAGCATGCCAACCGAGGAGACGCGC
ATCGGCCAGGAGCGCGATTAGTAAATAGATA

>trans_s_11180CP000581|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 1, complete sequence

AACTCTGATCATTGAAGTCGAGCCTCTTTAGAACCAAGAGTTGGTGTTTTCTCGGGACAACAAAGTTCTGCAG
GAAGAACATTCCTTTCTCAATGATGTCCG

>trans_s_11181Novel Gene

CAGTGTTATTCAATCTATGAATACCATGCCAAAGCAGAGTTGGGAAGAGCATAAACATGGCTACAGTCGAACA
CGTGTCGTATTATCCAACATGGACACGTCTG

>trans_s_11182XM_002314631|Populus trichocarpa sulfate/bicarbonate/oxalate exchanger and transporter sat-1, mRNA

TATCAAAACAGGGATCATCATCGGAATCATAGGCCTCGCTGAAGGGGTTGCAGTGGGAAGAAGTTTTGCTGC
ATTTAAGAATTGTTGTATTGACAAGGTGTTCT

>trans_s_11183Novel Gene

CAGGTTGTTCTTAAATTCCATGAAAAGGAGATGGTGTTTAAACAAGAATTATCTTACAGCCAGAAGATAGCTA
GATCCCAGATTGTCGCCAGAGCACATTGGGG

>trans_s_11184XM_002884563|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein binding protein,
mRNA

AAACCGCTCTGGCTCTTTATGGTTTTGTGAGACTTATTCATGCATTCAAGATTTTACTAGCCTGACCTTGTAATG
TTAAACTGTGCTCAATTGAGATCAGCCTA

>trans_s_11185NM_120361|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT5G02830) mRNA, complete cds

TTAGCAGGAAGAGTTGATTTGGCTCAGGACATTTACAGGGAAGTAAAGCATTTGGAAACAACAGGTGTATTG
AAGTTGGATGTCTTCACCTACAGCACAATTGT

>trans_s_11186NM_103929|Arabidopsis thaliana HKL1 (HEXOKINASE-LIKE 1); ATP binding /
fructokinase/ glucokinase/ hexokinase (HKL1) mRNA, complete cds

AATGCCTGTTATTTGGAGTGAACAGATGCTATTATCAAGCGTCAAGGACTTCTTACAACCTCTGGATTCATGGT
TGTGAACATGGAGTGGGAGGGCCCCCACAG

>trans_s_11187XM_002322561|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTB901),
mRNA

AGGCCGCCTCTCCCTTTGGTTCAAACACCTGAAGAGATGGCATCAAACCTTTACCTGTGCGATGTTTGAGAGTCC
TCAAGCGGTAGAGTTCCTCTCTACCGTATA

>trans_s_11188AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

CGGACAACAAGGTTTTACGAGAAAAAACAAAACAGGTTTACTTTCTAAACACCACAGGTGTGGTTCCTCTAC
GCCTAGGACACCAGAATATCCCAGCCCTCAG

>trans_s_11189XM_002882792|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TACTGGACAGCATGTTGAATATGATCAACGTCTGATATGTTTACAGAGGAACCGTCCGATATGCTAGTGACAT
GCTCATTTGGGCAGAACTGCTAGTAGAAGGG

>trans_s_11190GU462127|Prunus persica pectase lyase mRNA, complete cds

CAAAGAGATTCCTGAAACTGAGAATGGAGGAAGTGAGAAGTTGCAGAGCTCAAGCAACTCAACGATGGCGG
TGAGGTTGGATGAGACTAAGGATCTCGCTAATG

>trans_s_11191XM_002884517|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATBPM2, mRNA

GGGAAGCTTTTGGAGAGTGGGAACTAACTGATGTGAACTTTGAAGTAGATGGGGAAACATTTTCTGCCAC
AAGTTAGTTCTTGCTGCGCGGTCACCTGTCCC

>trans_s_11192NM_202752|Arabidopsis thaliana kelch repeat-containing F-box family protein (AT3G63220) mRNA, complete cds

AATGGATTGTTGCTTGCATGATTGACGAATGGGAATTTGAATACGAACCCCCTGTCCCATGCGCTGCTTGCA
CACATGAGTGAAGTTAGGTTAGGTTGTTGG

>trans_s_11193Novel Gene

CTTTCTGTAATGCTAGGGGACACCTTTTTTTTAATAAACGACTCTGCCTTTATTAAACGCCCCACTAATGCGTTA
AGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGC

>trans_s_11194XM_002891136|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata diene lactone hydrolase family protein, mRNA

CATTAGAGACTTTGCTTATCGTCTCGCTTGCAATGGCTTCAATGTCTTACTTCCAGATTTAGTTAACGAAGATCC
ATAAAGAGGGTTATTGATCTGGTCAGAGT

>trans_s_11195Novel Gene

CAGACACGCTCGGCACAGTGGAACGTGTAACCCGCCTGCTGTCTCATTCAACTACATTTGTTCCCTTCTATAAT
CCATAGCCTAAGATCAGGCAGCTCGCTCCC

>trans_s_11196X66775|I.latifolius 18S rRNA (partial)

TTCACAGCGGTACTTTTTAAATTGTCAGACCCGGCTTATAGGTAATAACTGACACCTATCGTGATCAAAGGGC
AGGGACGTAGTCAACGCGAGCTGATGACTC

>trans_s_11197X80236|S.tuberosum mRNA for alpha-II MPP

AGAACCTCTTCTATCTGACCTACCCAAAGTACCTGGTGTGAAAGTGCCAGAATCTGCTTATGTTGGAGGGGAT
TATCGTCGTCAAGCTGACTGTGGAGATGTGT

>trans_s_11198FJ821720|Populus euphratica CBL-interacting protein kinase 12 mRNA, complete cds

AGGAGCATCTTGTTACCGAAAGAAAAGAGAAGCCAGTGTCCATGAATGCTTTCGAGCTTATCTCTAGGTCACC
CGGTTTTAGAGAACCCCCGAGCGGACTTTCT

>trans_s_11199EF091878|Solanum tuberosum ACRE 276-like protein mRNA, complete cds

GATAATGAGTGAGGTAGGGTGTTCACGAGCAATAACCGAAGTGTTAAGATTTGGACATAGTACAGAAGCACG
GGAGAATGCCGAGCTACACCGCAGTCGTCAC

>trans_s_11200EF468483|Medicago truncatula MYB transcription factor MYB49 mRNA, complete cds

GAACCAGAACCTGCCATGATACCAGTTGCTGTAGAACCTGACGAATCTCCCCGTCATGCCAAGGAAGACGCTC
TGGTTAGAAAACCGGCTACTTCACGCGGCCG

>trans_s_11201NM_001056480|Oryza sativa Japonica Group Os03g0318600 (Os03g0318600) mRNA, complete cds

TGATGCCTTCCATTATAGCCTTCTTTTGGCGCACGAGACCACTTCGATCTTCGTCGGCGGGGTTTCTTCTTTG
CGGCCCTAAAAGACCTTCTGCGCTATATC

>trans_s_11202HM122653|Malus x domestica NAC domain class transcription factor (NAC11)
mRNA, complete cds

CAAATGTTTTAGATATAAATCCTTACCAGTGTAGACCTGAAATGTTACCAGATGGAGTTTGGTTTTACGCTGAG
TTCCATGGGAATGCCGACTCAAGTTTTAGA

>trans_s_11203GQ998825|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

CATCTACAACCGAAATGGAAACCGAGCGTTTCTGGTTTAAAAATCGGCTTAGAGCAGAGTTAGTAGTAAACA
GTCCTGATAAGCCTCATTCAAGGAACTAGGT

>trans_s_11204AY106386|Zea mays PCO090181 mRNA sequence

TAGACCCCATAAATGTTAAAATTGCAGAGCTTAGAGAGGCATTGGAGTCAGTCACTGCTGAGCAGAAATATCT
GAAAGCACGTGATGCACGCCACCGTGTGTGT

>trans_s_11205XM_003079509|Ostreococcus tauri vanilloid receptor-related osmotically activated
cha (ISS) (Ot05g04600) mRNA, complete cds

AAAGCAACCTTAGGAAAGCTTTTGAGGAGGCAGAAAAGAATGCTCCATCTATCATCTTTATTGATGAGATTGA
TTCCATTGCTCCTAAGCGTGAAAAAAGACG

>trans_s_11206DQ219419|Zea mays NADPH-dependent reductase (a1) gene, A1-b(P415) beta
allele, complete cds; and cin4 retrotransposon, complete sequence

TTGCCTTCTACTACAACCAAAAGCTCATCCTCTACGGCGACAATGGCGGGGAGGTGAAGTTCCTGAGACGGT
GGAGAAGCTTAGAAGCAATTCTAGAGCAACC

>trans_s_11207CP001576|Micromonas sp. RCC299 chromosome 10, complete sequence

CGAAGAGAATCAAATAATAAGTACGCGAGCTGAACGTACATAATCCGTGCGGCGGTGCTTCGTCCTGAGCC
AAGATCAAACCTCCATAAAAGTTGTGTTTCT

>trans_s_11208XM_002500644|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3 polycystin cation channel
family (MICPUN_57315) mRNA, complete cds

AATCATGATCACGGTGATCAAAGACAGCAAAACCAACCAGATATCGTTCGTGGACATTGGTTAAATCTGAACG
GCCCTCGACCTGAATCGGATTCTTCTCATCC

>trans_s_11209NM_001111787|Zea mays kaurene synthase2 (an2), mRNA gb|AY562491.1| Zea
mays ent-copalyl diphosphate synthase (An2) mRNA, complete cds

CTGCGTAAGTAGTCTATAGCTGATCCTTCCCGGCATCGCCCATGTGCTGGATGAAGGGTCTCACCAGTCCTGTT
TAGCATATGGGAGAACAGCGGACTCCTCTC

>trans_s_11210HQ288419|Populus ussuriensis cellulose synthase-like (CesA7) mRNA, partial
sequence

GGAGGGCAACCCTCCGGAACACATCCTGTACCAACATATATAGGTCCTGTAGTCCATCTAATCCTTTCATG
TTAATATCAAAGAATACTACGTTACGGTTT

>trans_s_11211DQ369876|Zea mays cultivar line T66 waxy gene, partial sequence

GAGCCCATTTGTTGACCCTGTTGCACCACCTGTTGTCGGCAACCCCTCCCATGATTGGAGACTCAGCACTCATA
GCATCCATCCCTTGCTGCAGAGCTTCCTCT

>trans_s_11212DQ445823|Bletia macrithmochila internal transcribed spacer 1, partial sequence;
5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GGCAACGGATATCTCGGCTCTCGTTTGATCAAATCTCTGCAGGTGTTTCATCGTTGCTTGATAATACTTGTTTA
TTATTATTTGAGCTACATCTGGACTCACA

>trans_s_11213XM_002890057|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartate-glutamate racemase
family, mRNA

TGCAGGGTATTATCAGGAGAACTGCAGAATGAAGGATTTGAGGTGGTCTTCCAGACAAAGCAACTATGGA
ACATACTGTAATTCCTGCAATGTCTGCTCTAA

>trans_s_11214Novel Gene

CATTAAAATTTGGACACTTGGAAACATAATGTAATGTTTAACAGATGAATTAGCCATAGTTGTAAATAATGAA
GTAGGAGGTCAATGGTAACCCCAAGGGG

>trans_s_11215FN397690|Arthraxon lanceolatus partial nadpme-II gene for NADP-dependent malic
enzyme, specimen voucher G:G. Besnard 67-2006, exons 4-17

AGGTGAAAACAGCAGCGACCGTTTCAAATGACTTGTAATTTCAACTTCAACAGCCAACAAAATCCTGTTTTTCA
ACACTTATCTCGGCTTCTATCGATCCAAAG

>trans_s_11216DQ002407|Zea mays copia retrotransposon opie1, gypsy retrotransposon grande1,
xilon1 retrotransposon, helitron B73_14578, gypsy retrotransposon huck1 and ruda
retrotransposon, complete sequence

ACGCGTGATCCAGTTCGTTTCTGATAGGCTGGCGACATATATGGCAGTTGGACAATCTTGATCCACATTCCT
ACAAGTCTGCAATGTTTGAATGTTAGTAGA

>trans_s_11217XM_002865433|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata inositol-pentakisphosphate 2-
kinase 1 (ATIPK1), mRNA

GATCGGCTTCTTGAAGTCCAGAAGCTTGATAGTTTGGACATTGAAGGTGCTATTCATGCATATTATGATGTAAT
TTCAGAGCCGTGTGTGGTTTGTGGACAGTT

>trans_s_11218Novel Gene

CCCTGCGGATGCTAACGCTCACTTAACGGCGTACCTTTTGCATGATGGGTCAGCGAGACCCGTTTCCAGTATT
AGGCCTAACCCGAACACGAATATCCCTTGA

>trans_s_11219GQ478227|Oryza sativa Japonica Group DExD box helicase protein HLA-B associated
transcript 1 (BAT1) mRNA, complete cds

TGCAACACTTAGCAAAGAAATCCGCCAGTTTGCAAGAAGTTTATGCAAGATCCAATGGAAATTATACATCTA
CTACTCCGTTTCGACTGTAAATGCAACTTTT

>trans_s_11220Novel Gene

AGATCCATATGTATAGATATCTAGTAGATGTAGGTCTTTCGGCATAACGAAACCTTCTTCGAACATGTCAAACCC
TTCCCCATTTGATTGATCATTGGAGGAAAAG

>trans_s_11221EU385470|Lycoseris crocata RNA polymerase beta subunit (rpoB) gene, partial cds;
chloroplast

GAACTATATGGACTCTTGTTATGTAAAAACAATGTCGCGAGATATATTGGCAGCTGCAGATCATTTGATTGGA
CTTAGTAAACCTTACCCATGTGAACACAGCG

>trans_s_11222AY024310|Oryza sativa microsatellite MRG6635 containing (TTCT)X7, genomic
sequence

AGTCCCCTTCGAAAGCCTTCACCAAAGATAAAGATGTAGACAAAGAAGGAGCGAAAGGGGGGAAAAGAGGC
AAAGACTCCAAAGAAAGTCAAAGAATCATTCCC

>trans_s_11223NM_126448|Arabidopsis thaliana antiporter/ drug transporter/ transporter
(AT2G04070) mRNA, complete cds

TTTGCCCTTCGCCACATCTTTGGTTATACTTTCAGCAATGAGAAGGATGTTGTGGATTACGTCGCCTCCATGGC
ACCTCTGATTTGCATGTCCGTGCTATGTTC

>trans_s_11224NM_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,
complete cds

AACATCCCCTTTTTATTTTGAGGAGAGGTGTATGGTGCCCAAATCCACATCCAGGCCCTTTTCCCACTGGACC
AGTATTGAAGCGATAGTATATCAAGTGCTT

>trans_s_11225NM_001073600|Oryza sativa Japonica Group Os12g0568800 (Os12g0568800)
mRNA, complete cds

TCAAGAATTTATCCAGTGATCAATTACATCGTTCTGTAAAGCCCCCTATTTTCTCATGCTTTGGTGATATAGCAC
TGGCTATTGGAGAGAATTTTGAGAAGTGT

>trans_s_11226Novel Gene

CCCTGCGGATGCTAACGCTCACTCTAACGGCGTACCTTTTGCATGATGGGTCAGCGAGACCCGTTTCCAGTATT
AGGCCTAACCCGAACACGAATATCCCTTGA

>trans_s_11227CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

CGGTTCTCGGTATCATGATAGAGGTAGAACATCCTATGGCCCTGTTTCTTGTGGTGGAACCTCATGTGGGTTG
GTGCTGTGCGATTGAGAACAAAGAGCCCTTTT

>trans_s_11228FJ708669|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

CTAACCATAGCATTAGATGTTGCAAGGGGTGTTGAGTATCTTCATGGTTTGGCACATCAAAGCTTTATACATAG
GGATCCAGGATTCCTGGGTAAAGAAGGGGG

>trans_s_11229Novel Gene

TTTTTTTCAGCCCTTCCAGAGCCAACAAATTGTTAACCAGTCCACAAATCTTTACCCCTCAAAGCTACAACT
GCTACCAAGTTCATAAGAAACTCAATTG

>trans_s_11230X81808|*P.abies* (L.)Karst. Lhcb1*1 mRNA for light-harvesting chlorophyll a/b-binding
protein

CTTGCAGACCATCTTGCTGATCCTGTCAACAACAATGCATGGGCTTATGCTACCAACTTTGTACCTGGAAAGTG
AACGGCAGCGTGCCGTGGACACACCCACC

>trans_s_11231GQ353673|*Zea mays* subsp. *mays* cultivar 613109-CN-T7-1 RFLP locus csu1132
genomic sequence; and eukaryotic translation initiation factor 6 gene, partial cds

TCCACATACATCCGTTGAAGATTTGGACGAGCTATCAACCCTTCTTCAGGTCCCGTTAGTTGCTGGAACCGTGA
ATCGTGGAACACTTGTGATTGCGGCACCT

>trans_s_11232NM_127816|*Arabidopsis thaliana* UCP5 (UNCOUPLING PROTEIN 5); binding (UCP5)
mRNA, complete cds

AGCTCGCATCGTACGATCAGATCAAGGAGACGATTCTGCAGAAGGGATTGATGAAGGACGGACTGGGGACA
CACGTGACGGCGAGTTTCGGGCGACCTATGCA

>trans_s_11233XM_002880167|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* ATBRM/CHR2, mRNA

CATCAAAGAGACAGAAAAGAAAGACCTCTGCAGATAACTAGCTCCCCAGGATGAGTAAGAAGCGGGGGTT
CTTCTATCTGATATTGATCCTTACTTCCACTT

>trans_s_11234DQ226922|*Boechera divaricarpa* isolate SLW-E-D07 mRNA sequence

GCAACAGGAGTTCGAAACTCAACTAGGTTTATAACATCTGAGTCCTCATTAGCCTTCATCCTGCTAAAAGTTTG
TTCAAGATCTGCAAGCATCTCCATCTCCT

>trans_s_11235Novel Gene

TCATATCCTTTTATTGTGTATCAAATTTATGGTTTCTATTGGTGCAAATCCAATCATCTCTATTTTCAATTTAGA
TGAGAAAGAATTCCCCATTGGTAACCC

>trans_s_11236NM_202477|*Arabidopsis thaliana* DRH1 (DEAD BOX RNA HELICASE 1); ATP-
dependent RNA helicase/ ATPase (DRH1) mRNA, complete cds

CGACGAGCTTGTTTCCAACAAGTCCATCACTCAGCATATTGAACCATTAGCACCATTGGAGAAGCACAGGCGA
TTGGAGCAGAGCAACTCTAGAGTTCTACCT

>trans_s_11237D83007|*Cucumis sativus* seedling cotyledon psaL mRNA for subunit of photosystem
I, complete cds

AGGGTACATACATAACAGTTCCAAAAAGGAAATCGATATGCAATCACAAAGGATCTAACAAGAGGTTTGGCA
GAAAATATACAATTTGGTCCCTGAGACTGTC

>trans_s_11238AJ303345|Lycopersicon esculentum lateral suppressor gene, ORF1 and ORF2

TTGCCCCGGGGTCTCCCCTCACTGTGGTCTGTTTTCTTCTTGCTCTCTTCTCTCGTGCAACTTCAACCGACAGA
ATGTGAAGATACCACTACTCGTGGTCAA

>trans_s_11239D67088|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 2 complete
cds

AACAGGATATACAAGGGAAAGGAGCAGTATTGTGGTGATTGGTCTTAATGTTCACTGCACCGGTGAGACC
ATACAGAGGGTCCATTGCCTTGACCTGAGGA

>trans_s_11240FJ388886|Medicago truncatula plastid carbamoylphosphate synthetase large
subunit (CPSI) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

CGTTTCGACATATTCTCAATGGAGCAAATGATCACACGTTATCAGCAAGATCCCTCATGACCTCAAGCTCGTA
CTCCTTCCAACCCAGCAAAGATTTCTCCA

>trans_s_11241AJ829649|Staurostrum margaritaceum, partial 18S rRNA gene, internal transcribed
spacer 1, 5.8S rRNA gene and internal transcribed spacer 2, strain M2220

ACACGGGGAATGAATGGTCCAGCAGACATAGTAAGGATTGACAGACTGGCTCAGAGAAGGTATCGATCGCG
CATCCGGTGTGCATGGACTAGGTACCACCCCT

>trans_s_11242XM_002879584|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPGP1, mRNA

CAGGTAGGAGAGAGAGGACTGCAGCTTTCTGGAGGGCAGAAGCAGAGGATCGCAATAGCAAGGGCAATGC
TTAAAAACCCTGCAATCCTACTCTCAAAGATTT

>trans_s_11243X73961|C.sativus mRNA for heat shock protein 70 (hsp70)

ACTTTTTACGGGTTGATCCACCGACAAGAATCACCTCGTCAATATCCTTGAAGGAGAGTTTAGCATCCCTTAAG
GAGTTTTCAACTGGAGTCTTCAGCCTATC

>trans_s_11244XM_002890554|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GAMMA-ADAPTIN 1, mRNA

TGAGGCTGGAAATTTTGAAAAGATGAAGTATGGCATGGCCTCATTGTCGTGATAAGCAATGCATCTGACCTC
CATGGGTATACTGTAAGGGCCTTGTAACAA

>trans_s_11245AJ441072|Brassica oleracea mRNA for sorting nexin 1

AGAGCCAATGCCTTCAGGCAGCAATGTGAACTTGCCGAAACAACAAGGCTGAAAGAGATAAATCTAGACAAA
CTCATGCTAATGAGATCCGATAAAGCATCTG

>trans_s_11246XM_002312526|Populus trichocarpa beta-ketoacyl-coa synthase family protein,
mRNA

AAAGGATGGAGTCGTTTGAGCAGGATTCACACCGTCCGAACCCACAAAGGCTCCGACGACAAATGCTATAAT
TGCGTTTTCCAACAAGAAGACGACACCGGAC

>trans_s_11247BT024494|Arabidopsis thaliana At5g40550 mRNA, complete cds

TTCCAAAGTGACCACCCCACGCCTGTCGTGGAAACACTCACTTCATCCTCTGAAAGTTGTTTTGCTTGAGTATAT
AAATGCTTCAATTTTGACAATGAATTAT

>trans_s_11248XM_002314173|Populus trichocarpa endoplasmic reticulum [ER]-type calcium
ATPase, mRNA

GCAATTGAAGACTGTAAAGCTGCTGGTATTCGCGTCATGGTTATCACAGGAGACAACCAGAACACAGCTGAA
TAGCGCGTGATCTCCCGCTTGTGGGGGTTTT

>trans_s_11249EF382356|Cucumis sativus stachyose synthase mRNA, complete cds

AATACTTTTAGACTTTTGGAAGAGAAGCCTGTCACACATCTGGTGGACAAATTCGGTTGGTGACCTGGGATG
CTTTTACTTAACAGTAGACCCACAACCTT

>trans_s_11250AF004317|Musa acuminata S-adenosyl-L-methionine synthetase homolog mRNA,
complete cds

AGCGCCATCTGAGGGTGGGACATTAACAGGACAAAAGCGCCCTGAGGAGATTGGCGCTGGTGACCAAGGGC
ACATGTTTGGCTATGCCACACTACAAACCCCT

>trans_s_11251AB058643|Luffa cylindrica LcIMS1 mRNA for isomultiflorenol synthase, complete cds

TGCACTACCTTTAATTACATCTCTTTGCGTTTACTTGGGGAAGGACCTGAGGTTGAAGAACTTCGAAATCCAG
AAATTGGATACGACACCATGGTGGTGTCA

>trans_s_11252NM_001052144|Oryza sativa Japonica Group Os02g0103900 (Os02g0103900)
mRNA, complete cds

GTTTGTTCACCTTAACAGGGACAATGATGCTCCTCAAAAACCTTCACATACAAGCTAAAAAGAGCAGATGAAG
GCATACACTCCAGGCCTTCTCTGTAGACCG

>trans_s_11253FJ589740|Populus euphratica Na⁺/H⁺ exchanger 2 mRNA, complete cds

AAGCAGTATACGTGCACTCCTTGCGACTCCTACACACACCGTTCATCGCTACTGGCGAAAGTTCGACGATGCTT
TCATGCGTCCAATAAAACCCCCAGGGGGG

>trans_s_11254GQ373182|Arabidopsis thaliana callose synthase 10 (CalS10) mRNA, complete cds

GGGTGGCAAACCTTTTCGTCTGTCTAGAGACAAGGTTCTTCACAAATGCTTCTGGAAAGCTCTCAAACGTTTGT
GCATCATTTCAAGCGATCGTATCTCTCCC

>trans_s_11255AJ005181|Lycopersicon esculentum genomic RAPD band 27

TCATACGAAAAGCAAGGCTCCGTTAGGAGTTGGGAAGTAGTACGCCCCGGTTCAGGTTCTACCACAGCAG
GGCCCAATCATACAAAAACGAGTCTGGGTGCG

>trans_s_11256Novel Gene

GGTCTCGACTTCTTCGCTATGATCTTCTAGTAGTTTATATAGGAGCTATAGCCGTTTTATTCTATTCGTTGTTA
TGATGAATCCTTTGCAGACGACCCGGG

>trans_s_11257NM_112195|Arabidopsis thaliana OVA5 (OVULE ABORTION 5); ATP binding / aminoacyl-tRNA ligase/ lysine-tRNA ligase/ nucleic acid binding / nucleotide binding (OVA5) mRNA, complete cds

CCCCAAGTGAACAATCGCACAAAAGATGAGGATGATTCTTATGAAGTGACACTTGACGATGATTTTCTTACA
GCTCTGGAGCGCAGAATGCCACCAGCATCT

>trans_s_11258XM_002875860|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2423, mRNA

CTTGAGCTTGCATCCAGTTGGTTGGCATGTTTCCCTTTTTGGCGAAGATGCACTTATATGACACTTTCTTTGTT
GATGGACCTGCCATTGAAGTTGTTGAGA

>trans_s_11259AY500156|Lycopersicon esculentum MAP3Ka mRNA, complete cds

CTTAGTAGATCCGAAAGGCGAGGTCAAGTTGGTGGACTTTGGCATGGCAAAACATATAACGAATTGTACTTCG
ATGCTTTCCTTCAAAGGCAGTCCTTATTGG

>trans_s_11260AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TCTCGCCGCGCCATCTGGCGTACCTGTAGGCGGCGCCGTCGGCTTCATCTGCTTGAATGGTTACCATGAGTATT
TCGTAATTATTTAAGTTCGGGATGGATT

>trans_s_11261NM_128659|Arabidopsis thaliana ATP synthase protein I -related (AT2G31040)
mRNA, complete cds

GTGGATTCTCTGGCAGATGGAGTAAAAGGACTTGTTAAGGGAGCCGTTGCACAACCACGATTATTAGTTCCAG
TCATATTGGTGATGATATATAACCGTTGGA

>trans_s_11262AY095468|Saururus cernuus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAACATGATGAAGGAGAAAAAGATTGGATGATGACCCATGATCTCAAAAACATCCTCTATTTGAGGTGAAC
AGCCTCTGGTCGATGGAACAATGTAGGCAAG

>trans_s_11263NM_001059731|Oryza sativa Japonica Group Os04g0495800 (Os04g0495800)
mRNA, complete cds

GCCGTGTCGTAAGTCAAGTAAATGAATACTGGCAAGGCAATTGATCCATAAACCTCATGACCGAT
TGCATGTTCCATTCTCAGATACTCGCTGTC

>trans_s_11264GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete
sequence

GGACCTGTGCGATGAATGGAGTCCTCAACAGTCTCAAAATCAAATCAACACATACCTTTTACCCTTTTATCTTC
CTGTTGTGCCTCTACTCATGCACTGCCT

>trans_s_11265U60149|Beta vulgaris plasma membrane major intrinsic protein 3 mRNA, complete
cds

AATGTGATTTCTGCCACACGACCAAAACCTGGACAGTTCAAGAACTATGGTGCCTTGTGGTTTACATGGGCTT
TGGCCATCACAACCCAAAAAAAACCTTTT

>trans_s_11266XM_002885599|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata high-chlorophyll-fluorescence 101 (HCF101), mRNA

AAAGTGACAATGTCAGCACAACCAGCAAAGCCTATTTATGCTGGCGAACTCCACCTGGTTTGCAGAGAATCT
CAAGCATTGTGGCAGTTAGATTGGTACCTT

>trans_s_11267XM_003057492|Micromonas pusilla CCMP1545 formaldehyde dehydrogenase/S-formylglutathione hydrolase, mRNA

ACAGGGATAACTGGCTTGTGGGCCCCCATCGTCTAGTGGTCCAGAGTGCTCTCTCCCTGAGGAGGCAGCCCCC
TTTCGAGAAGGGGACCCCCATCCAACAACG

>trans_s_11268NM_100436|Arabidopsis thaliana CALS1 (CALLOSE SYNTHASE 1); 1,3-beta-glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CALS1) mRNA, complete cds

TGTGCGACTGTGAGCACTGTCAGCATAGTGCTGAAATAGAAACCAACTGTGGTGAAATAACAAGACAACATG
CGAAAGAAATCAAATCGGTGACCTAGCCTGT

>trans_s_11269XM_002886091|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FAT domain-containing protein, mRNA

GGGTGGCGTTGGAATTTCAAGAGAGACATTTTTTTGTAAGTCCATTAGCATTCAAAGCTAAACATTATCCAAAG
GACTGATTAGATTTGCCAAGATGGACTGT

>trans_s_11270XM_002306695|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC035), mRNA

AAAGATTGCGAGGAAGAAGGAGATTTCTTGGAGATCTATGATCTCATTGGTCCTGAACCAACTCCTGTGGCAA
ATGTCAACCCTTTAGGAAATATACCACCTT

>trans_s_11271FN563088|Prasinococcus capsulatus plastid partial 23S rRNA gene, strain CCMP 1202

GGTGTGGGTAGCGGAGAAATCCAATCGAACCTGGAGATAGCTGGTTCTCTCCGAAATAGCTTTAGGGCTAG
CCTCTTCTACTACTACTGAGGTTCTCGG

>trans_s_11272Z72489|P.sativum mRNA for CP12

TACAGTGAGAAGAAAAGAATCGGATCCATTGGAAAATATTGCAAGGACAACCCAGAGACCGAGTCCGTGAT
ACAAGCACTGTTGACTCATTACCCCAAATAT

>trans_s_11273AF479224|Saxifraga mertensiana 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GCATCTATGTTAGCCTTAGTTTTATTGTTTAAAGTTAAGTCAAGTTGTCGAAATACCCGTGATGCATATTAAGTC
GTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCG

>trans_s_11274Novel Gene

TTGCCTAGAAGCAGCCACCCTTGTGGAGACATACGGCGTTGAGAGAGAGTATCTACAGCGCAGTGACTTTGG
AGTGAGAGGGAATTAGGAGAGAACAGATGTA

>trans_s_11275NM_001069635|Oryza sativa Japonica Group Os09g0396300 (Os09g0396300)
mRNA, complete cds

ATTCCCTCCGCCAAGCAGAAGAGAACGGCATCAAATCACTATTTGTTTCATGTTCTCTCTTCTTAACTATAGATG
AAGAGACCCAGATTACATTTATTGCTTC

>trans_s_11276XM_002873712|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT5g16110, mRNA

AGATGGTTATCGGTTCAAGGACGCGGAACATTTTACCCAAATATTCTGGTGTCTAGTATATCTCCTTGGTGT
GGTTAGGTAGGGCTTTCCAACAACCGGGT

>trans_s_11277AY540536|Graptopetalum suaveolens external transcribed spacer and 18S
ribosomal RNA gene, partial sequence

CATAGTGATGATGATTTAAACATGTCCGATCATAAATACACTGGAATATCAACCTCTACTCATACTGAATGAG
ACTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATCG

>trans_s_11278GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

AGTGCGGCTAGCACTCCCCGTGTGCCCTCGCAGGACGGTGAGCCTACTTGCGTCGCTAACGAGACCCACGGA
GTTATAGTCAGCTTCTCCCTCTTACTTACCT

>trans_s_11279NM_001123759|Arabidopsis thaliana HDG2 (HOMEODOMAIN GLABROUS 2); DNA
binding / transcription factor (HDG2) mRNA, complete cds

CCTGTGTCGACGATCCAACGTGGCAATCCAACGCTTTGCGCCGAACGCGTGGCCAGAGCTAACTAGCTGGTTG
TATAAACTGTGGACACCACGATCATCCACC

>trans_s_11280XM_002875909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pectinesterase family protein,
mRNA

ACGAGACATGTCGTTGAGAACACGGCAGGACCAAGCAAGCATCAAGCAGTAGCATTACGTCTGAGCGCGGA
CCACGCGGTGGTATACCGTTGCAACATCATT

>trans_s_11281FM205880|Micractinium sp. TP-2008a 18S rRNA gene (partial), ITS1, 5.8S rRNA
gene, ITS2 and 28S rRNA gene (partial), strain CCAP 271/1

CCACGCGCGCTACACTGATGTATTCAACGAGTCTATATAAGGTATATATGTGAATTGCCGAGGATCCCGGGAC
GATGTCGTTTTGCTCGACGGTACCGGTGG

>trans_s_11282XM_002875097|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATWHY3/PTAC11, mRNA

AATCTCAGCGTTCAGAACAAGCTAATCAACGTGGACGAGAGCATTTATATCCCATCACCAAAGCAGAGTATA
CTGTACTTGTTGAGGCTTTCAAGTTTATCT

>trans_s_11283AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

TGAAATGCCACTCGAACCCTCGAGAGCTAATCAAAGGCTCTATGCGTGCTCAACGACGTAAAACATTTATTGG
GAAACTGTTTCCCAAACGTGTACATTCTTT

>trans_s_11284NM_124302|Arabidopsis thaliana beta-galactosidase (AT5G49250) mRNA, complete cds

TACATTAGCATGGGATAACATCTTTGCATCTGGATACTCCTCTTTGAATGTTTCGTTTCTTAGAGGTCACTATATT
GATGCTATGCGGCCCGTCTACCCTAGTT

>trans_s_11285NM_001125641|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding
(AT4G34100) mRNA, complete cds

CAGTGGTCCTGTTTTCTCAACTATGATGCCACTTACTGAGTCAGCTCTCTCCTTAGCAAATATTACATTGAAAAA
TGCATTATGGATACCCACCCCATTTTTA

>trans_s_11286NR_022376|Arabidopsis thaliana (AT1G67328) otherRNA

AAGCTGCGTCCGATACTGGACGTGATAAGCTCGAAGCATGGGAGCGTCTTTAAGAACCGTCTGAACCCATTTTC
GGATCTTCTTCGAGAAAAATCGTAGTTCCG

>trans_s_11287AM158910|Plantago major partial mRNA for monodehydroascorbate reductase
(mdar1 gene)

TTCCTATTGGGGTCGTGTCGCATGCCATCGATACATGGGTTTTCTAGAACAAAGGGAAGGACCAGAGACATCA
ACATTGGTGACCTGTGATGGAGGCGGTTCA

>trans_s_11288XM_002316491|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 21 (CPK21),
mRNA

CAAGCAATCGGTTCAATTTGATCATGGAGCTTTGTGCTGGTGGCGAGTTGTTTGATAGAATTATTGCTAAGGGT
CATTACAGTGGCAAATGATCATTCTGCGC

>trans_s_11289EF011022|Medicago sativa DH mRNA, complete cds

CAAGCTGTCATTTTCTGTAACACTAAGCGGAAGGTTGAATGGTTGACTGAGAAGATGCGAAGTAATAACTTCA
CTGTATCACATATGCATGGGGACATGCCTA

>trans_s_11290AY383621|Glycine max harpin binding protein 1 (HrBP1) mRNA, complete cds

GAAGATCGTCGGATTCATACTTTTCGCAGCCGTCTTCGAATAAGAATCTATATCATGCTGTTTTTGGTCCAAGT
CTTGACCAGCAATTAGCTGGGTTGAGTCT

>trans_s_11291AB061795|Bruguiera gymnorhiza bg55 mRNA, complete cds

AGTTCAATGAATGATATACGTTTACCCATCGACTTCAGCAATGTATCACTTGGAGGTCTTGACAATAGTTACTA
TCCAGATTTATTGAGGCAGTTACCAAACA

>trans_s_11292AB081587|Prunus dulcis genes for S-locus F-Box protein c, Sc-RNase, S haplotype-
specific F-box protein c, complete cds

GGAATATGGGTATCCGATCCTCGCAAGCCGGTTAAGGAAACGTGGATTACGGGCTTCATACAAAACACTAG
GAAACCCAGCTTCCCCACCTTAAATAACCCA

>trans_s_11293AJ606888|Actinidia deliciosa AFLP fragment Pol9

TTCTTCTCCTTCTTCCCAATTCCTTCTCTGTGTTTCTGCACATAATCACTCAATACACAATTGGATTACCCAAT
GAAGTTCGGCAAGGAGTTCACAGCTCA

>trans_s_11294NM_001060708|Oryza sativa Japonica Group Os04g0664900 (Os04g0664900)
mRNA, complete cds

TGGCAGGTACGTTCCACCAACTCCAAAGTTGAAGATTCTGTCTGGAGCATGGGCATGCTAAGTGTCACCTTG
TTGGTTAGCTGTAGAAGTGACCGTCTTCG

>trans_s_11295Novel Gene

TGTCGTCGATTACTACAAGTCTTTGAGGATAGATTACTCTCTTTGACTTCCTGATGGGTAGATTGCAGATTCAT
GGATTCTGATTACCACTTATACTCA

>trans_s_11296XM_003058864|Micromonas pusilla CCMP1545 cyclopropane-fatty-acyl-
phospholipid synthase, mRNA

TTGGGCGTAGAGAGGAGCAAGGCGAATCGCGAGGCGAATTGTACTACGTCACCGGTGGGACTCTCAACCTTA
TGGCTCCAACTCGGGCCGATTGCTTCACGA

>trans_s_11297GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

AGTGCGGCTAGCACTCCCCGTGTGCCCTCGCAGGACGGTGAGCCTACTTGCGTCGCTAACGAGACCCACGGA
GTTATAGTCAGCTTCTCCCTCTTACTTACCT

>trans_s_11298GU323319|Arachis hypogaea cultivar Huayu19 CCT domain protein (CCT) mRNA,
partial cds

GAAGAGGAAGAACCGGAAATTCGAGAAGACAATCCGATACGCTTCAAGAAAAGCCTATGCAGAAACCCGTCC
CAGAATCAAAGGCCGTTTGCAGGGGTAGGTT

>trans_s_11299AF206763|Duckeodendron cestroides ribulose 1,5-bisphosphate carboxylase (rbcL)
gene, partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

TCCCCACACACTCATTGCAACTATGCTTATACCAGAGGTGGCTCACGCATGCCATAGGGCTCTAGTACACGGA
AGTGCATACCATGATTCTTCTGTCTATCAA

>trans_s_11300AY739086|Sapria himalayana voucher 4156 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

TGGCAGGGCTTTAGATGCTCAGTCTGTCTCGGTTGCGAAGGCGAGAAGGTGAGATCGGAAAATAACCAGACA
AATCGCTCCACCAAAGCCTCACGGCCATGCA

>trans_s_11301HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

GGAGAAAGTATTGATTACAGGGCGACCTTTACTCTCGAGGAGGGGCTCGCGTCTGATTAGCTAGTTGGTGAGG
CAATAGCTTACCAAGGCGATGTAGCTGCTAG

>trans_s_11302AJ829649|Staurostrum margaritaceum, partial 18S rRNA gene, internal transcribed
spacer 1, 5.8S rRNA gene and internal transcribed spacer 2, strain M2220

ACACGGGGAATGAATGGTCCAGCAGACATAGTAAGGATTGACAGACTGGCTCAGAGAAGGTATCGATCGCG
CATCCGGTGTGCATGGACTAGGTACCAACCCCT

>trans_s_11303Novel Gene

TCGACTTAGGAGCTCGACTGAAAGGAGTCCAAGATTCAAGCTGAAAGGTGCGAAGGTACTCGTAGTTTTAGA
TATAGGGAAGGCGCAAAGAATTTGCGAAAGA

>trans_s_11304XM_002883978|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein transporter, mRNA

TCAGTCTCCACATGCTACATTGAGAAAAGTAGCCTTGAGTTCTGTGAATCAGTACATTATGCTGATGCCCACTG
CGCTTTACATATCCATGGACCAGTATCTT

>trans_s_11305XM_002878508|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata sumo-activating enzyme 2 (SAE2),
mRNA

CATATCTGTTACCATACGAGGCCAACCCCTTCTCCACGGTCAGCAGTATGACCCCTTTGATTTTTGCCCTCAACA
CTTCGATAGCAGCTACCTGAGCGAGTGT

>trans_s_11306XM_002865909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FTSH11, mRNA

GGGAAGACCATATCACTACAGGAGCAAGTAGTGATCTCAACACAGCAACGGAGCTTGCCCAATATATGGTAT
CGAGTTGTGTGCGTGACAGCATGATTGGACC

>trans_s_11307XM_002299831|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS29),
mRNA

AATGTGCTCAAGCTGTTTCAAATTACGATCAAAGAACTGCCAATGAACTGCTTAATCAAATCAGGCAGCACTCT
AATCCATCTGGGGATGGAAATCAAAAATT

>trans_s_11308GQ377441|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription
factor 21 mRNA, complete cds

TCTGAAGAGTCGTCGTTGGTCCGTTCCATTTCAAGTATCAAAGAGCTTTCTCATATGAAGATAAAATTCCCCAC
GCTAATGATCCTCTGCTTTCTTCTCCAGA

>trans_s_11309EU002523|Morella cerifera RNA polymerase beta'' subunit (rpoC2) gene, partial cds;
chloroplast

GCCCTCAATGTGGATGCCTGGCCGAGTCGGACTTGTTTATTGTTGAATTGGGACCGAGACAAAAAAGCTCTT
CTATCGAAGACTATATATAGAGCTCTGCCA

>trans_s_11310Novel Gene

CTAGGAGCTTCCCCACATAGAAAGTCTGGGAAAAAGTGAAGGATTACAACAAGTGGCATTATATAGCTTAG
GTTTTTGTTATGTGCTGAAGGGAGTTGTTAG

>trans_s_11311Novel Gene

AGGTACACTAGGGAGCACAAAGTTTAAGTCGACACAATGGTAATTTTATGAACTTGAGTACACGAGCAGCTATG
ACTGGTGGTCTTGGTCTTCCGACACGCGCA

>trans_s_11312NM_001060896|Oryza sativa Japonica Group Os04g0691700 (Os04g0691700)
mRNA, complete cds

CGTCTGGACTTTCATGGATTCTACACTGTGATACTTGAGAAAGATGATGTGCTGCTATGTGTAGCTTCTATCAG
GGTACATGGATCAGAACCGATCAGAGCAT

>trans_s_11313Novel Gene

GAAATCCCTAGTCTAACCTTCTCTACACTCACGGGTACGTCGTAACCAGGCGTTGGGGCAGACACCCAACTC
GCATTATAATAGCGAGAGCCAACCACTCAT

>trans_s_11314NM_123988|Arabidopsis thaliana KH domain-containing protein (AT5G46190)
mRNA, complete cds

CTCATGTAGCCATTATAAATGCCTGAATCAAGTTTTAGCCGTGCGCTTCTGTTTCAGATGTACCAGATATAAGA
GCAATGCGATCACCTCGAGATGACTTAGA

>trans_s_11315GQ294572|Ricinus communis retrotransposon RC-Galadriel, complete sequence

ATACCGCGAGTTCTTATCTGTTGGTGTGTCGGAGGCGACGGAGTTTACCTCGAGATTCTATCTCGGCATTATG
AGGGACAAAGTGTTTCCGCAATTCAGCCTT

>trans_s_11316Novel Gene

TGCTTTGATGATGTTTGATAATCCCAGCTCGATGAGACCTTTTGTAGGTCAGGGACTAGTCTTTACCCATCAAG
TATCTGAGCCTCGCCTTGGCCGTACAGCA

>trans_s_11317EU002429|Liquidambar styraciflua photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein
(psbB), photosystem II protein T (psbT), photosystem II protein N (psbN), and photosystem II
phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

GAGATTTATAATTCTTCCATTTTACTGGACGGAATTTCAAGCATAATCTAAGCTAAGTGTTCTACCCCTAAATAA
CTTTCTTTTTTTTTTCCCCAGGCAAGG

>trans_s_11318NM_001111656|Zea mays OCL4 protein (ocl4), mRNA emb|AJ250986.2| Zea mays
mRNA for OCL4 protein

TAATTCGTGCAAAAACTATAACAGGCATTTGACTTTCAAAGTTGCTACAAAGTGGTTTGCTCTCCTTATCAGTC
GAGCCCTTGCAGGCCACCTGCCCTAGAT

>trans_s_11319NM_103565|Arabidopsis thaliana YbaK/prolyl-tRNA synthetase family protein
(AT1G44835) mRNA, complete cds

GGGTAAAGGTGGTCTGAGAATGGCTCCCAGGAAGCATTGGGTGAGAACTTAAGGTGTCCCTGGGTTGTGT
TACTCCATTTGCACTCATCAGCAAACACTAC

>trans_s_11320AY007500|Spathiphyllum wallisii ribosomal protein L2 (rpl2) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

GAGTTAGTGAACGACGGCAATGAGAAGTCAAAGACAACCTCCAGATAGGACACCTCCATGAGTTTATGGATC
AGTGATCGATTTCTAGGTTTCGTCGTAAACC

>trans_s_11321Novel Gene

CAAGCCATATCTTTAGACAGCTTTGACCAGACACCCTTTGTTGCGAGGAAGTGGAAGCTGAATTCATCTACA
CTACAATCACGCGTGTTGAGCAACCCGGT

>trans_s_11322AF150630|Gossypium hirsutum cellulose synthase catalytic subunit (celA3) mRNA,
complete cds

TGTCATCGCCGTATGTCTCACATGTGTGTGACGACGATGGTGGGTGTTCTGTTTTGACGACCCATCAAACCTTT
CAAGAATGGATAGAGATGAATGATCACCC

>trans_s_11323XM_002874266|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA helicase, mRNA

TTGGCGACCAAGATGAAAAGCTTGCTGAGGGGATCAAACCTTCATGCCATATTAACGACTGCAACTTCGAAGCA
AACTATTCTGAGAGATCTTGTAACAGTTTA

>trans_s_11324AF533336|Chenopodium rubrum vacuolar proton-pumping PPase (CVP1) mRNA,
complete cds

TATACTAGCAATGCATACAGCCAGTGTACAGATGTTGCTGATTCTTGTCGAACTGGAGCTGCTACAAATGGGC
GGGGGTTCTTGGGGAACCCTATGGGGCTCA

>trans_s_11325NM_001055781|Oryza sativa Japonica Group Os03g0193300 (Os03g0193300)
mRNA, complete cds

CCCCCTTGACACCCGCTCTGGCCCAACCTGCCTCGGTACCCTTACGCCGTCGCCACCCGAACAGGGGAAGTT
GACTTATTCGCTCGGCCAATCGTCGGAATG

>trans_s_11326AY093260|Arabidopsis thaliana similar to pyrophosphate-dependent
phosphofructokinase beta subunit (At1g12000) mRNA, complete cds

GTTCTTGAGAAGATGTTTATGGAAATGGTCGGTTCAGATGGCGTGGGAATGTTCAACATGAACGACAATCCA
ACGGCCTCCAAGAGTTTGTGTCCCCATTAG

>trans_s_11327GQ377441|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription
factor 21 mRNA, complete cds

TCTGGAGAAGAAAGCAGAGGATCATTAGTACAAGGAATTTATCTTCATATGAGAAAGCTCTTTGATACTGA
AATGGAACGGACCAACGACGACTGAAGTCT

>trans_s_11328AY608701|Vitis vinifera plastid hexose transporter mRNA, complete cds; nuclear
gene for plastid product

AACATTGGCTGACAAGTTTGGCAGAACTAGGAGTTTTCAGTTGGATGCAATCCCCTTGCAGTAGGAGCAATT
TTATGTGCTCAGTAAACAGACACATGGGTG

>trans_s_11329Novel Gene

TACCTGGTTGATAAGTAATCATATGGTTGAACTGGGAATCGGGTTCACAATATAAACCAATAAATGATTTTAG
AGGAAAACCGCCTCTTCTACCTAACCAATC

>trans_s_11330XM_002871031|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin-dependent glutamate synthase 1 (GLU1), mRNA

CGAGAAGCTTCCTTGAAGTCATCTGTATGGCGGGGTCGTGAAAATGAAATTCGTCCATATGGCAACCCAAAG
GCATCGCATCTACAGGTCAGACCAGATGTCT

>trans_s_11331EU228370|Oryza rufipogon isolate H12 expressed protein (Os04g42610) gene,
partial sequence

TGCAAAAGCTGTATGAGAGCAAGCAAACACCACACTAACATCGGCATGTACGTAAGGGAGTTGAAGGTCGT
TCGAGCTTTTCTCTCAATCCGCATCGGTCC

>trans_s_11332NM_130215|Arabidopsis thaliana SDH4; succinate dehydrogenase (ubiquinone)
(SDH4) mRNA, complete cds

TTCTTTTCTAGAACTACCTCTACTTTTCCTTGTTAGAGTTTATCTGGTTCTAAACCGGTCGGGTCATTCTTGGT
GAACATAATCTGCCATAATCTCTTCGA

>trans_s_11333Novel Gene

GCAGATGTTTGTCTCCTAAATTAGCCTTTATAGCTGTCTAAGGACACACACCTCAGGTTTATTTTATGAAAATG
AAATAAAAAAGATCCACTGTTCTAATTT

>trans_s_11334DQ851867|Cucumis melo cytosolic glutamine synthetase (GS1) mRNA, complete cds

ATCTCTGTGAGGCCAAGCCCCAGGAGAAGACAGTGAAGTGATCCTTTACCCACAAGCAATTTTATAGGGACCCA
TTCAGGAGAGGCAACCCGCGAGAACCCGCG

>trans_s_11335FJ040857|Arceuthobium campylopodum isolate CAM2161 ribosomal protein S7
(rps7) gene, partial cds; ribosomal protein S12 (rps12) pseudogene, partial sequence; tRNA-Val
pseudogene, 16S ribosomal RNA gene, tRNA-Ile and tRNA-Ala pseudogenes, complete sequence; and
23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GCTAGGCGAAGCGGTCGAGTGCTGCACCCTAGATGGCCTCTCTCCAGGCTAAAGGGATGCTGTGATCCGTG
CTCTGACCCGAGTAGCATGGTTACATGTTCC

>trans_s_11336XM_002892949|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-phytochrome-responsive1
(EPR1), mRNA

GAGTGCAATTAGAATTAACCTGATACATGTTCAAATTCGGGGAACTGCAGAGCTGGAAGGAAGGAGTAATGC
GATGGAATTTATTCATGAAATTGGGGTTATA

>trans_s_11337AY564238|Cucumis sativus male-specific expression region sequence

AGTCCACGACTGTCTTCTTTAGAAACCTTGAACATATAGCATCGTCATCTCCAACCAAATAAGATAAATTCTGA
CATAATTAAATGCTCCACCCACCAATAG

>trans_s_11338AY356313|Solanum tuberosum L272 gene, complete sequence

TGGAGATGGTGGCTCAGTGGAGTCGAATGATTCATCTCTCGTGGTTTGTGTTTGGAGAAATGTTGATTGATTTT
GTCCCTACTATATCACTCGGTCTCCCTCGA

>trans_s_11339DQ116445|Gossypium hirsutum 24-sterol C-methyltransferase (SMT1) mRNA, complete cds

AAGGTTTTGGATGTTGGATGTGGTATAGGCGGACCACTGAGAGAGATTGCAAATTCAGCTATACTTCATAAT
GACCCAACCTTGGGTGGATCGACGACTTAAT

>trans_s_11340GU358610|Jatropha curcas delta 1-pyrroline-5-carboxylate synthetase (P5CS) mRNA, complete cds

AGCTTTCCTTCGGGATGTCAAGCGTCTCGTTATCAAGGTCGGGACGGCAGTGGTGACGCGCAGTGATGGAAG
ATTAGCTTTAGGCAGATTAGGAGCAAACACA

>trans_s_11341NM_001057432|Oryza sativa Japonica Group Os03g0679700 (Os03g0679700) mRNA, complete cds

TGAGACCCGTGAGTGGATATTGCGTAATTCATCTGTACCCGTAGGAACTGTCCCATATATCAGGCACTTGAG
AAAGTGAATGGAATAGCTGACAGTCTCAGG

>trans_s_11342Z97692|Medicago rugosa DNA for ITS2

TCCCAGTCCCGAACCCGTCGGCTGTCGAGAACTATATGATGCCCATGGGTGGCCCTGCGCCATATAATCCATA
TTGTCACTGCATGTGGCTCAACCCAGCAA

>trans_s_11343XM_002893553|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kelch repeat-containing F-box family protein, mRNA

ATCCTATCCAAGGGAGTTGGAAGTCCATTGCAAGCATGGGAACAAATATGGCTTCGTATGATGCTGCAGTTCT
CAATGGGAACTTTTAGTGACTCTTCATCA

>trans_s_11344NM_001052589|Oryza sativa Japonica Group Os02g0175400 (Os02g0175400) mRNA, complete cds

CATGGGAGGTGCAGCCATGTATGAATTGGTTCGTGTTGGTCATGATAATCTGATTGGTGAAATCATTAGGTTA
GAAGGAGATTCTGCCACTATCTGAACCCGC

>trans_s_11345XM_002863958|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata xylulose kinase, mRNA

ACTGTCCCATTACAAAACCCAAGATGGAGTTTACCGTGATTCTTCTATCAATGGTCGAATCGTTTCCCCACATC
CATGTGGGTGGAAGGAAACCTAGAGTAC

>trans_s_11346Novel Gene

AGAGCTCCTCTATTCAATTGATTCTTCTTCATATCAACTTTTTAGTTTTCTACTAGGCGGGCGAGAATATCCTAG
TACTTCGTTAGGTTGCCTACCTACCTAC

>trans_s_11347XM_002887196|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATEXPA1, mRNA

AAGGATCAAGAACTGGTTGGCAAGCAATGTCAAGGAACTGGGGACAGAATTGGCAGAGTAACAGCTACCTA
AATGGTCAAAGCCTCTCCTTCAAGGTAACCAC

>trans_s_11348XM_001697983|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TAGGGGAGGCGCTATAGTATAGTTACGCGGGTTCGGGTCCGCGAAGGGAGCAGCCGCGAGGCGAGGACTT
ATTCCACTCCGGTAATTTCCGCAGCGCTCGGG

>trans_s_11349U63784|Catharanthus roseus PAPS-reductase-like protein (par2neu) mRNA,
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AACACTTGTGGCAGTTACAAAACATTATGATTGATCATCGGAAAGCATTTACAAAAGCCATAAGCGAGTCAA
CATCTCTCTTCTCAGACGGGTACTTGATCG

>trans_s_11350XM_003055607|Micromonas pusilla CCMP1545 glycoside hydrolase family 13
protein (PUL1), mRNA

ATACTATTCAATTCTCGACTCGTCCGATCGGGTCGCTAGAATCGCGGTGGCGGACGTCGCGGGGCCGCATCG
GATCGCGACGATGAGCCCAAATCATAAAAGG

>trans_s_11351AL161577|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 73

ACTGTCCTCTACAAGTTCAGCAATACGATCAGGTCCAACCTCTGGAATAGACAATAAAACCAACCAGAAGAA
TTGGCTTGTCGGTGGCTACTCTTGATTACC

>trans_s_11352AF479135|Ochroma pyramidale 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AGGGGAGGGAAGCGGATGGGGGCCGGCGATGTATTTTCAGCCTTGTTTTGCCACTACTCGACCAGGCGGT
TAGCTGAACCCCGTGTTCAATCGTATAGTAC

>trans_s_11353CP000596|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 16, complete sequence

CAAGGACAAGGTTTTCCATATGTTAGACACCATGGTTCTTTGCTTGGTTCTCATCACCATCACGTAGGATCTGC
TCCATCTGTGTGGGGAGAAAGCGTATTCA

>trans_s_11354AY007500|Spathiphyllum wallisii ribosomal protein L2 (rpl2) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

GAGTTAGTGAACGACGGCAATGAGAAGTCAAAAGACAACCTCCAGATAGGACACCTCCATGAGTTTATGGATC
AGTGATCGATTCTAGGTTTCGTCGTAAACC

>trans_s_11355X13133|Spinach mRNA for photosystem I subunit IV

AATCGTCCGGCTATTATTAGGAATGAAAAGAAACCTACCCAAAAGGAGATTATCATTGATGTTCCGTTGGCCA
CTAGTTTGGTGGGGCTCTTAGGAATAGTTA

>trans_s_11356AY080654|Arabidopsis thaliana At1g10660 mRNA sequence

AGAGACGATTACAAAGATTGAGTTGGGTCATTGTACGAGGATGAACTCTGGCGGACGTGTCTAAAAGAAATA
CATCCACTTTGCCTCCTAGCTTACAGAATAT

>trans_s_11357AB476298|Oryza sativa Japonica Group NYC3 mRNA for alpha/beta hydrolase-fold
family protein, complete cds

CCCCCACCCTCTTTTATCCGATCCAAAACCTGAAGAAGGGGATCCATACAATCGAACAGACACAGATTTCTTTG
ATCCTTCTCTAAAAATTCCAAATCTTTA

>trans_s_11358GU644417|Phyllostachys edulis microsatellite PBM077 sequence

CATGCCATTATTATAATTGAAATTCTCGTAGCTAAGTGCCTTTGGGCCGTTGGTTGTTGCGAATTATTGGTC
TTGGTGATGTTCTGTCTGCTAGGATTGTG

>trans_s_11359NM_001125596|Arabidopsis thaliana CIP7 (COP1-INTERACTING PROTEIN 7);
transcription activator (CIP7) mRNA, complete cds

TTCACCGGCTAGTATGATACCAGAAGTTTCTGAGTAAGGAAATGCTAATCAGAGAGGCGCCTGCATAGCTGCT
ATTCGTCTATCCAGAGCTTATCTTCATT

>trans_s_11360tpg|BK000731.1|TPA_inf: Oryza sativa transposon Rim2-M117, complete sequence

CAGACGACGACTCGCAGGGACTGGTGGCGGAGGATAATCTTTCTGTCTCGGAATAGGACTCTTTCAGAGAGG
AACTCCTCCACAGCGTTGGACTCAGAAGGAG

>trans_s_11361AP010819|Ephedra equisetina chloroplast DNA, complete sequence

TGGTGCAACATTCCAGGAGAAGTCTAGGTTCTTGTATCTCCGATGTAGAGCCCTGAGTCTCGCGTGTCTACC
ATTCACCACCAAGGCTAAAAGGAGCAATA

>trans_s_11362NM_001063731|Oryza sativa Japonica Group Os06g0225300 (Os06g0225300)
mRNA, complete cds

AGTGGGTTTCGCAACAACCACTATTTACCCCCAAATGAAGCCATACGACTTTGTTGGTTTCAGTCACATTTGAGA
TGCCAGATTCCAGAACTTTGTGGAGCACT

>trans_s_11363NM_001049146|Oryza sativa Japonica Group Os01g0253300 (Os01g0253300)
mRNA, complete cds

AAATCCAAGCCGTGATCGAGGCAGGGGTGTGTGGACGACTCGTACAGCTGCTATTACATCCTTCACCGTCGGT
CCTCATTCTCGGGAAGCGTGTGTTGTTTCAT

>trans_s_11364DQ372936|Zea mays phytoene synthase 3 (PSY3) gene, complete cds

AAGTCTCCTGCGAGGAGGATTGTTTGAAAGAGGTGGAAGTGGGCTGAAAAGGATGGGATTCCTGTTGGGAG
CGGGAGCACGAGTGGGAGGAAGATAGGGAAAA

>trans_s_11365NM_100521|Arabidopsis thaliana ATTPS7; alpha,alpha-trehalose-phosphate
synthase (UDP-forming)/ transferase, transferring glycosyl groups / trehalose-phosphat> (ATTPS7)
mRNA, complete cds

GCTTTGGTTTGGCAGTATCGAGATGCAGATCCTGGTTTCGGATCATCCCAGGCAAAGGAGATGTTGGATCATT
TAGAAAGTGTTTTGGCCAATAGGTTAACCA

>trans_s_11366AJ012654|Prunus persica mRNA for ribosomal protein S28 (rps28.2)

TCTACAAATTCCACTGATCGATTTCTCTCCGGCCTTCTCTCGCGTTTGAGGAATGGAATCCCAAATCAAGCATG
CTGTTGTGGTCAAAGTAACAAACGTCCA

>trans_s_11367Novel Gene

GAGTTGTTTTTTAGGGGAAGCAGTGAGTGGAGATTCCCCTGCAGAGAGCCGGATGAGGGGAGACCTTCACGT
CCGGTTCGAGAGTCGAACTAGACCCTGTTTA

>trans_s_11368AY095470|Trimenia moorei 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGTTAGTCGATCCTAAGAGACGGGGGAAACCCGCTGATAGGCGCTGTCGCGCTTGAAGCTTCCCTTAGCC
CAATTTTAAGGACCCAATTTCAATTTCCCG

>trans_s_11369M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
1-2

CCGCGTGTGAATTCTTTCAAGGCAAGGGGCCTGATCGACATTCTGTTTACTCTGATCCGGTCGAGGTGGTTTT
CCTTTACCAGCGCGTAGGTGGTCTCAGTT

>trans_s_11370HM989010|Galega orientalis gibberellin receptor (GID) gene, complete cds

TGCTCATTCATCAGCCAACAGTGCTATCTATGACACCTTTGCCGCCGGATTGTAAGCGTTTGCAAGGCAGTTG
TAGTCTCGGTAACTACCCTATCGTATTT

>trans_s_11371Novel Gene

TTAGGAGGTAATTGTTCAACATCTTTAAATGATGTAACACTCCATCCTTTGCAGAGAATATATCAAGTAAAAG
TTGGGGAGGGATTTAACATTGATAGAATC

>trans_s_11372XM_001699274|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TACGTGGTGTCAATAATACACATTTTCATTGACATCGATTCACTTCTTTATGTGGAGGATCACCTCTCGGATGCA
GGAACGTTGGTCCACAGGAGAGAGCCGG

>trans_s_11373GU726894|Humulus lupulus microsatellite 3n4-cDNA-J8 sequence

AGCAAATACTCTCTGAGAAACAGCAGCAGGAACATAACTTTGTTCTCCTCTACCTGGCAAGACTGATGGGATT
GCTGTTAATGCTGAATATGTGTTCCCTGA

>trans_s_11374XM_002312874|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP87D8), mRNA

TTATGGGTTTCAGGGTTCAAATGAAGAGCTGAATTGGCAACCATTATCGTCCACCCTGCTGGAATTGTATATCC
TCTTATGTTACATCTTTTGTAGTTCTCC

>trans_s_11375DQ147913|Petunia integrifolia subsp. inflata calcium-dependent protein kinase 1
mRNA, complete cds

TATTTTTTCTCAAAAGCTTAGACACTGACCCATTCTCAATCGTAGAAGCTATGGCGGATGGAGCGAGCAACG
GGGATGGTAAAGCTTGTTGCCTAACGTTT

>trans_s_11376XM_002894108|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata stomatal cytokinesis-defective 1
(SCD1), mRNA

ATTGCTTTTAGAGACCCTGTTAGTGAGGACATTGCTGAAGCTTATCGCATTCCACCGAATTCTTATGCTGATTTT
ACGCGAGTGCGTGTTCGCGTTGCAATA

>trans_s_11377NM_128988|Arabidopsis thaliana antiporter/ drug transporter/ transporter (AT2G34360) mRNA, complete cds

GATGTGTTCTGGAATAGCAGCTTTGCTTCACATCCCCATATGTTGGATTCTGATATTCGAAATTGGACTTGAGA
TTCGTGGAGCGCTCGCCTAACCGTAATAG

>trans_s_11378DQ010042|Cucumis sativus high mobility group protein mRNA, complete cds

GCAGCAGACGGGGCAAATAGGAGACGAGGAATGATGTGGTGGAAGAAGAACAAGCGTTTTAACTCCTTCAT
AGTTCTGGAGCAAAGACTCAGCAGCCCCGAGCCC

>trans_s_11379L47115|Picea glauca late embryogenesis abundant protein (EMB2) mRNA, complete cds

AGAGAAGAAATTGAGTCAGCTATGGAGTCTAAAGAGACCGTGTATTTTGATGAAGAGGCTGAGTGTGCTCGG
GATGCCGTGAAGAGGACCCCGAGGTCACGTA

>trans_s_11380XM_002299831|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS29), mRNA

AATGTGCTCAAGCTGTTTCAAATTACGATCAAAGAACTGCCAATGAACTGCTTAATCAAATCAGGCAGCACTCT
AATCCATCTGGGGATGGAAATCAAAAATT

>trans_s_11381XM_002878366|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1703, mRNA

GTCTCTGGAGAATAGAATCCTATTCTCTGCTTCTCATCTTCCATCGTATATAATTCAATGCAAAGTACATGACGA
AGATCTAACCACCACAAATAATCTTCTT

>trans_s_11382D67088|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 2 complete cds

AGTGTTGAATTTATTGCTCCTTCAACGTCGTATTCTGCTCCTGTGCGTGTGTTCTTCAAACCCTTTAAGGGTAAG
AGATTTGTGGGTATACTAACTCGTTGTT

>trans_s_11383NM_001048552|Oryza sativa Japonica Group Os01g0148000 (Os01g0148000) mRNA, complete cds

GAAAGTGCTCGTAATGTTACATGCCGGTAGAATCTTCGCAGCCTACCATATTGAATGAAATTGGTCCTATAG
ATTGTGATGGAATTTATCTTTCTTCTTGTTG

>trans_s_11384U14956|Vicia faba ferredoxin NADP+ reductase precursor (fnr) mRNA, complete cds

TATGAAAAATGTTCTTCGAGAAGCATGAAGACTACAAGTTTAATGGTTTGGCATGGCTGTTCTTGGGTGTTTT
GTTTTCATCGAGTGAAGAAATGGGGAGAAG

>trans_s_11385XM_002881455|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RabGAP/TBC domain-containing protein, mRNA

TGGCTTATTGTTGCTTCTCATGCCTGAAGAAAATGCTTTTTGGACGTTAATGGGAATTATTGATGACTACTTTG
ATGGGTATTACTCCGAGGAAATGATGTCC

>trans_s_11386XM_002528485|Ricinus communis type 2 diacylglycerol acyltransferase, mRNA

GAATGTGGCTCATAACCAAAAACATAAGCACGATTGGTATCAAAGGCATGTATATCCTCAACATGTAGAGTAA
CAGGAAAATAACTGCAAGCATTTTGACATA

>trans_s_11387Novel Gene

GAAACTGGAAGAACAACCTGGTAGAAAATCAATATAACAAGAATCATTACCAAGGAAGCTCTATGCCTACTGA
AGATAGACTTGAGAACAAATTTGAAAAGAC

>trans_s_11388Novel Gene

AATGCCATTGAGAAATTGGAAGCAACCACGTACGGAAGAACAACCTACTGTTGATCAAGAAGATTATCGAATAA
CTCCTATGAGTTCAAAGCAACCATATTCCA

>trans_s_11389BT000616|Arabidopsis thaliana probable bZIP protein (At1g52320/F19K6_7) mRNA,
complete cds

GAACAGGCTAAAGAAACGAGGTTCTAATCCAGAAGCATTAGAGAAAGCTAAAGCAGCCGTGAGTCACCTGCA
TACGAGATACATTGTTGATATATGGCTGCCA

>trans_s_11390EF159952|Scenedesmus arcuatus var. platydiscus 18S ribosomal RNA gene, partial
sequence

CCAGATTCTAATGAAAATCATGGTGTACCGACAAGAAGTCTAAAGCAGTTGCAGTGAACACGGTCAAACCAT
CTACCACTGTGAACCAACAAAAGGACAAAC

>trans_s_11391AY739088|Sapria ram voucher AB129 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGAAACTGCGAATGGCTCATTAAATCAGTTATAGTTTGTGATAACATACATGGATAACCGTGGTAATTCTAG
AGCTAATACATGCATGTTTGGGGCTGGGA

>trans_s_11392AY100953|Cuscuta sandwichiana PsbE (psbE) gene, partial cds; PsbF (psbF) and PsbL
(psbL) genes, complete cds; and PsbJ (psbJ) gene, partial cds; chloroplast genes for chloroplast
products

TTAGGGTCAATATCAGCAATGCAATTCATCCACATCGCCCAAGCCGAATCCGGCGCTCTAGCGTCACACCGAC
CCGAATCCATCCCAAAATGTTGACTTGAAT

>trans_s_11393X05423|Pisum sativum chloroplast psaA1 and psaA2 genes for P700 chlorophyll a-
apoproteins (84 and 82 kD polypeptides)

CTTTAGCGGCCCCGTAAACGTATGTATACCACTCGATGTTATTACCAATTTCTCGGATTGATAGCTAGGTTAAT
AGATAATTGAGCATGCCATGACGTTGTTA

>trans_s_11394AB333796|Glycine max mRNA for peroxisomal aminotransferase, partial cds

GACTAGCTGTTTTGAAAGTGATTGAGAAGGAAAAGCTTCAGGAGAACGCCACGTCGTTGGCACCTACCTGA
AAGATAGGCTCACTGCTTTGAAGGACAAACA

>trans_s_11395GQ253430|Brassica napus mercapto-pyruvate sulfurtransferase 1 (ST1) mRNA, complete cds

GGTACTTGATGGAGGATTGCCGAAATGGCGTACGTTAGGATATGATGTTGAATCCAGTGCATCTGGTGATGC
TCGGGGTCCCTAGCATTAGTACCTATCTTAC

>trans_s_11396NM_001048852|Oryza sativa Japonica Group Os01g0200500 (Os01g0200500) mRNA, complete cds

GGCACGGTTTCACCAGCAGGCTTCTTCAAGTTCATTTACAACCTCTCAATCTGCCGTTGCACCAACTACTGAGC
ATGGCAGCCTGAAATTAGGACCTTGCTGA

>trans_s_11397Novel Gene

CGAAAACATAGACCTAAACAACTTTACGGGGACAAGCGTCTCTCGTATGACAGCAAGCCATCCTCACAGAGG
AGTGCAAGACGGTCTCTTGTGGCACAACACC

>trans_s_11398AM396200|Plagiochilion conjugatum chloroplast psbA gene for photosystem II 32 kDa protein, specimen voucher Schaefer-Verwimp & Verwimp 14080 (GOET)

AGATCGAGTTGCGTTCTAACTCGTATATCGTGACTCTAGGGAGCCGCCGAATACACCAGCTACACCTAACATG
TGAATGGGTGCATAAGGATGTTGTGCTCA

>trans_s_11399XM_002892183|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata coenzyme F420 hydrogenase family, mRNA

CCACCTGCGCGGCATGTTAGAAATGAGCGTGGTAGAGAGATGCTGGGCTTAGTAGAACAGTACTTAGAAATT
ACTCCAACAATCAGCACTGTAAATTTCTTGC

>trans_s_11400NM_113553|Arabidopsis thaliana major latex protein-related / MLP-related (AT3G26460) mRNA, complete cds

TTTAAGACTTCAGCTTTACCATCAGCAGTGGTATAATTCCATATCTTGATGGAGCCATGACCATGACTGTCCCA
ATCACCTTCATGAACTTCAACTTGTTTGA

>trans_s_11401AJ346902|Exostema lineatum 5.8S rRNA gene, internal transcribed spacer 1 (ITS1) and internal transcribed spacer 2 (ITS2)

TTCCGTCTCAGCAGGCGGCCCCCCTTGTGAAAAGCTACGGCACTCCCTCGCAAAGCCATTAACTCTCCCGCC
GATCTTCGCTTGTGACATACAGCGAACTT

>trans_s_11402NM_112265|Arabidopsis thaliana ATEXO70D3 (exocyst subunit EXO70 family protein D3); protein binding (ATEXO70D3) mRNA, complete cds

CTCTGAGTCACGATGTCCGTCTGCAACAAGTCAGAGAAGAGATGAGCTAGAGAAGGGTCTCTGTAGTGCCTG
GACTTGCCCTCCAAGTTGAATTGCAGAATCA

>trans_s_11403DQ116445|Gossypium hirsutum 24-sterol C-methyltransferase (SMT1) mRNA, complete cds

AAGGTTTTGGATGTTGGATGTGGTATAGGCGGACCACTGAGAGAGATTGCAAAATTCAGCTATACTTCATAAT
GACCCAACTTGGGTGGATCGACGACTTAAT

>trans_s_11404AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

AGAATTGACTCAGGAACTGGAAACCCGAAGGGCTTCAGAATCTAAGATAAAGGAAGATATTTAGCCGTTGA
AAGTCATTTTGCTTCACGATTTCTCCGCTCC

>trans_s_11405XM_001702881|Chlamydomonas reinhardtii DegP-type protease (DEG7) mRNA,
complete cds

CAACTCCCTTCGAGCGCGCCCAACCGGCGAACCTATGGAGAGGTCAGGGGGTTTAGCGCGGGACCTGTGGAT
CGGCCCCGAGGACTGTTGCGTTCAGACTCGT

>trans_s_11406FJ708701|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

CAGATGGATCACTTGACAAACCAGTTACTTACTCAACTCCTAAGCTAGTAATCCTTCACATGACGCGTTAAAGG
ACATGGGCGTCTTCAGCCGTCTCTCGAGT

>trans_s_11407EF382356|Cucumis sativus stachyose synthase mRNA, complete cds

CATTCCATTATTGAAGGAAGTTTCAGGTCTGCCCTTCATCCTGGGACTGATGGGCAAGTCTTGATTTGTGCTG
ACCTGTGCTCAAGAGTACACTGGACACGC

>trans_s_11408FM211863|Panicum miliaceum partial pck gene for phosphoenolpyruvate
carboxykinase, specimen voucher G G. Besnard 65-2006, exons 1-9

GATAATGAAGGATTATCTTCCAATACCTATAAAGAGTATCGTACAAGTTGTTAAATACAATACCACACCCGGG
GAGCCGCCCACTTTTTTGACAACTCCATAA

>trans_s_11409AB206813|Chlamydomonas reinhardtii GCS1 mRNA for generative cell specific-1,
partial cds

GCTTTTAAGTGCGGCTAGCAGAGGGGCACACGGGAGCGTCCTGCCACTCGGATGAACGCAGCGATTGCTCTG
GGTGCCTCAATATCAGTCGAAGTCCCTTCCG

>trans_s_11410NM_106648|Arabidopsis thaliana protein binding / structural molecule
(AT1G79990) mRNA, complete cds

CCTACCTTTTCAGCCGAGCACATCTATGGAGGAACTCTGTTAGCCATGTGTTCCAACGATTTTATATGTTTCTAT
GATTGGGCAGAGTGCAGACTGATCCGCC

>trans_s_11411NM_001050370|Oryza sativa Japonica Group Os01g0673800 (Os01g0673800)
mRNA, complete cds

TCATGACTCTTGATAGTTTGGATGTTGATTTGAGCAAAGAACTATCGGCTCCTCCAATGCCTAGGTCAGAGGAT
TTGGTCGAGAAAAACATTCCGATTGCGGT

>trans_s_11412Novel Gene

AAAGTATTCTTGATGAATCTGAATTTCTAGGGTTTCACGACAGACAACAGACGAAGCTCTCACCTCTCTGAGGC
GAGTGGGAAAGGGCGCAAGGTTGAGCGCA

>trans_s_11413AF010283|Sorghum bicolor ADP-glucose pyrophosphorylase subunit SH2,
transcriptional regulator, NADPH-dependent reductase A1-a and NADPH-dependent reductase A1-b
genes, complete cds

TGGAATGAAGCAGAAAAGAAATGGTGGCCAAGAACTAAAGGGTCATGTGTCAAGTTTGTAAGTTTTACGGC
GTTTATGTGCACAAATTCAGCAGATCATTTT

>trans_s_11414AY078964|Arabidopsis thaliana At2g45290/F4L23.20 mRNA, complete sequence

TGAGACATTGGGCACCACTGCAGAACTGCCCTCGTTGAGAAGTCCATCAATACAATTCGATTCTTGCCATT
GATGCGGTTGAGAAAGCTATAAGGGGTCAA

>trans_s_11415AB331342|Syzygium jambos chloroplast rpl2, rps19, rpl22, rps3 genes, partial and
complete cds

ATTGGTATCTTTTAAATTCTTCTTTATTACAGATGTATTTTTCAATACAATAGTTATAGAACAAGTGGGTCGTT
TTATGGGATATGAAATACGAATGCCCCC

>trans_s_11416Novel Gene

GAACGCAACTCTCAACAACAGACAACGGAACAAACAGAAACCAAACGCACTCTACGCCAACTCTCAAATAC
TCATACATTCAATCTGCTCCTGCGATCTGC

>trans_s_11417Novel Gene

CAATTCTTGCGAGAGCTGGAGAAGCGTCTACGGGTAAAGCACCGTATCCATATAACAGCTTGCCACCTACGCT
CCGCCATCCATTCAAACCTTAGAGGCCTAG

>trans_s_11418NM_001055847|Oryza sativa Japonica Group Os03g0205000 (Os03g0205000)
mRNA, complete cds

TCACCGGAAGGATAGAGCCATTAGAAAGCATTTTGCTGGATTGTCTGGTTTCTAAGTTAGCCGACACAACTT
TATAGTTACTTTGTAATTTATATTCATCTC

>trans_s_11419D14550|Daucus carota mRNA for extracellular dermal glycoprotein (EDGP)

GACGCCTTGCTGTGCGCCGAGTATTTTATTAATGTAAAAGCCATTAAAGTAGACGGTAACCGCCTCGATTGA
ACAAGTCGTTGCTCGATCCGAGAAGGTACT

>trans_s_11420U34334|Phaseolus vulgaris non-specific lipid transfer-like protein mRNA, complete
cds

CCAATCCATCCCGAACTTGGAATGCTGCATGGCACTTGGGCAGGCCGACTTGCACTGCTTTTGTGCGTACCGG
AACTCGGGAGCTCTTCTCTCATTTGTCGT

>trans_s_11421Z11883|S.tuberosum U1snRNA variant genes U1-1, U1-2, U1-3, U1-4, U1-5 and U1-6

GGGTGCAACACACAATATTGAAACGAAACTCACACAGGTGGGCAGACCTTAGACGGGCACCCCTCCGAAGTG
CAATGGAGGTCACCAACCTAGGCCATGAGCC

>trans_s_11422M21296|Soybean (G.max L.) beta-tubulin (S-beta-1) gene, complete cds

TTTGTGAGTGGATCCCAAACAATGTAAATCAAGTGTGTGACATCCCTCCAACTGGGTTGTCAATGTCTTC
AACATTCATGGGTTTGAGCTGGAGTGGTG

>trans_s_11423AY105383|Zea mays PCO086901 mRNA sequence

AGAGGACAAAAGGTGCACATCGTAGTTCGTAAGCTTCCAAAGCCCTAGGTGGAGAAATTGTTGGAGATTGT
GAAATCGTTATCTCTCTCTTAATGGGCTTTT

>trans_s_11424XM_002893466|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPUP3, mRNA

TAATATGGCAATGTTTCTTCATCGGAGCAGTTGGAGTCATCTTTTACTCATCCTCTTTATTTTCCGGCATAGTAA
TTGCACTCTTATTGCCGGCGGTGCGAAAA

>trans_s_11425Novel Gene

AGCAAGATCAAACGACAGGCTCTTATCACTGCAGCATCTATGAAACCCAATGGGGTTATGCCTACCCCTGAGA
ACCGCTGGACACCAAGGGAAACAAAGTTCG

>trans_s_11426NM_001056122|Oryza sativa Japonica Group Os03g0254700 (Os03g0254700)
mRNA, complete cds

AGATACACGCGTTCAATTCCACATAGATCAGATACACTTGTTGGCCATTCACGAAACTCAGATAGCCATATATG
AAGACCATGCGGCAGGCACCTTATCTGT

>trans_s_11427NM_114739|Arabidopsis thaliana sterile alpha motif (SAM) domain-containing
protein (AT3G48800) mRNA, complete cds

TGGAGGAGGTTGGATTTGGCAAGTATGCTGGTGTGTTTGAGATTCACGAGGTGGATGAGGAAGCTTTACCAT
TGCTGACCATTGAAGATCTTACCTCTCTCGG

>trans_s_11428GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

GTGACGGTTCCTTCTAGTGCTTGCGCGGCCTTCTTCTCGGAGGTTACCGGAGAATCTGAGAGGCATAG
AATTGAGATCTAATTTAGTATCAAGCATCG

>trans_s_11429U10416|Phaseolus acutifolius phytohemagglutinin mRNA, complete cds

GTAGATAAGGAAGATGCATCCATGGCTACTCTGGATGACCCTGATGAAATGATAGAGGATGGATTGTTTGCT
ATTGATGGCGGTACAAGTATCACATGTGTTT

>trans_s_11430GQ899987|Cuspidatula monodon voucher Pocs & Streimann 99189/B (EGR) internal
transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2,
complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTATCGTCAACAGCTCGATCAGTATAGATTTTGGCCACGAAATGGAGATTCTAGAGGTAATGGCGACCCGCG
TTCTGTTTCCCAATTGCAAGTTTCTAG

>trans_s_11431XM_001416304|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 Lipoprotein Q-related gene (LppQ) mRNA, complete cds

AAAGCTGATGTTCAAAATCTTGATGCTTCTGCAAGATCCACTGATGAGCCTTCTAATGCTGGGAAGTTGGTCCC
AACAAATATCTTGAAAAAAGATGACATCC

>trans_s_11432XM_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

GAATTTATTGGCAACAGGAGAGCCAAATACACAAGCAAATGTGTGCTTCTCCTGGCACATGTGATGATGGAA
GATGCGTCTTTTTGTTCCAAGTGGGGTTAG

>trans_s_11433AC225786|Oryza officinalis, complete sequence

GTCCAATGCTAACAAATCATAATCTGAGACAACGCCAACCTGTTATGGAGTTTGAAGATTTCCAATCATTTCC
TAAAAGAAAATACATTTAGATATGGACCG

>trans_s_11434DQ338538|Saussurea involucreta ribose 5-phosphate isomerase-like (RpiA) mRNA, complete cds

GATATCAGCATCATCAAATGAAAAATCAATTTGAGAACTATCGTTGAACTGGTCTAATGGAATTCCGGCCTTG
GCAGCTTCACTTGCACTTGCTATGGACATG

>trans_s_11435AY769943|Medicago truncatula CLV1-like receptor kinase (SUNN) gene, complete cds

CGGGCTCCATTTATCAGCTTCATGCTCTAGGTCATATGTTTCAGCCTCTGGTTCCATTTCAAACCTTTGGTCCA
CCTCTGGCTCCTGTTCTGTGTCTCTTG

>trans_s_11436Novel Gene

AAACATCTTAGTAGCTAAAGGAAGGGAAATCAACCGAGACCCACCGACGATAATAGATAGAGATAAGCCAA
AAACCCCTGAGGCGACCCAGGTCAGGCGGG

>trans_s_11437AB195174|Nicotiana tabacum NtPITSLRE alpha mRNA for homolog of mammalian PITSLRE alpha protein kinase, partial cds

TATGGTAATGGAGTACATGGAGCACGATCTAAAAGCACTCATGGAGACAATGAAACAGCCATTTAGTCAAAG
TGAAGTCAAATGCCTGATGCTTGCAATGAC

>trans_s_11438AB517657|Dianthus caryophyllus DcNCX1 gene for sodium/calcium exchanger protein, complete cds

GTCGAAGAGGGCAAGGGGGTCTTGATAAAAGCTATACTCTTCTTGTTACTTGGAACCGCCATTGCTGCTGCCT
TTGCTGACCCTTTTTGGTCGTGATGCACGC

>trans_s_11439XM_002318894|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTC903), mRNA

TGAGGAAGAGCAGAGGGAGAGGGACAGGAAGAACAAAATAAACATGGACTTTTCAAGATTTTGTAAACCGTG
TCAATGATCTTTGGGGCCAGTTTTGTTTCACC

>trans_s_11440NM_001056658|Oryza sativa Japonica Group Os03g0352400 (Os03g0352400)
mRNA, complete cds

GAGGATTTTCTTGATTGACTGCCCCGGGAGTCGTTTATCAAATAGCGACACTGAACTGATATTGTGCTTAAG
GGTGTGGTACGAGTTACAACAACACGAAC

>trans_s_11441AB364671|Camellia saluenensis chloroplast DNA, atpI-atpH spacer region,
specimen_voucher: No. 1123 (NIFS)

CGATTCTCAAATTCGATGGAATCCAAAGATATGAATAATTGGTTTACGTTAGGGAAGAAACACATGTATATGT
TATATTAGTGGGTCCAGAGTGGAATTA

>trans_s_11442XM_002894460|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CPN60B, mRNA

CCCTGTAAAAGTTGAGTTCAGAGACCAAGGCTTTGGCTGTTTTTCAATGCCTCTTGATAAGAACAGGATTT
GCTCCAGCTGCGACTACCTTGACACCTT

>trans_s_11443AF486839|Glycine max hydroxyisourate hydrolase (HIUHase) mRNA, complete cds

CTCCTTCACCGACGGGGAAGGTGGAGAAAAGCAGTAGTGCCAGAACCAAAGATAAAATCAGATGGAAAATC
GCATCTATTATCAACACCATCAGTGCCTCCT

>trans_s_11444FJ444999|Zea mays autophagy-related 4a variant 2 (Atg4a) mRNA, complete cds,
alternatively spliced

AAGATCACCTTCCTGATGATGCAGCATCTAGCACTGGTGTAGCAGGATTTGAGCAAGATTTTTCATCTAGAATT
CTGATGACCTATCGTAAAGGTTTCAATG

>trans_s_11445FJ708675|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

GGGAATAGCTTTTCCGGCGAGATCCACCTCATATTTGTGAGTGGCTTCCGTATTTGGTTAGTATGGATTTGTC
TAACAATCAATTTACTGGTTCTATTCCG

>trans_s_11446XM_002325030|Populus trichocarpa type-b response regulator, mRNA

CCTGGGCGTCACGCTTTGGCATCATTGTTGTTTGGCCTAGAGTTCTATGATTGAGGGTTTGTTGCTTCATCTGC
CCTTTGGATAGGGTTAATTTGCGCCTAT

>trans_s_11447XM_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family
protein, mRNA

TGGAGGGCCCTACCCACAATCATGGGCTCCAACCTCCAAATGATTCTTGTTGGAAGGGATGATTGCCCCCCCT
CGAGCAACCTCTGACCTCACAACTCTGG

>trans_s_11448NM_001050028|Oryza sativa Japonica Group Os01g0600900 (Os01g0600900)
mRNA, complete cds

TCGAGGAGAGAGCGTTTGGGACACAAATTCGGCGAGGCTGTGTGGTTCAAAGCTGGATCACAAATCTTCAGC
GAAGGTGGGCTCGACTCGGGTTTTCCAACA

>trans_s_11449BT025315|Arabidopsis thaliana At1g10150 mRNA, complete cds

ACGTCACGAAACAAAACTGTATGCAATCTGCAATAACATTTTGCATTCTCATTGGAGGCCACAGTTACCC
ATCTGGGCACGTCTGGAAATTCAGATCC

>trans_s_11450XM_003061871|Micromonas pusilla CCMP1545 acetyltransferase-like/FAD linked
oxidase, mRNA

AACGCAAGTGTAGGCAGTGATACTGTGGTGGAGCTATCGAGTCAAGATTTCAGACATGGCGGCAACGAATGA
AACCAAATGTAAAAATAATTCGTTTGCACA

>trans_s_11451FR751314|Cucumis sativus mRNA for shikimate kinase

AGCAGTTGCAGTTTTCGCCATGGATTCACTCGAAGAGTGTTTCTGCAAACCGAAGGGTTCGCTGCATTTCCT
CGGAGATTAGCGGAGGTCCTTATATTGC

>trans_s_11452Novel Gene

GGTTGCAATGCATATATCTGAATCTCATGCGAGCATTTACTTATACTCGACTAGCTGAGATTTGGGGCTTTTG
AATTTGATGTCTTAGACTGATCTTCATG

>trans_s_11453BT008893|Arabidopsis thaliana At5g16070 mRNA, complete cds

CAGATCAGTTGACTGATATAGTTGTTAATGCGGTGCTCTGTATTCGTAAACCAGAAGAAGCCATTGATTGT
ATGGTGGAACGGCGTACACACGCGGCGC

>trans_s_11454NM_001161212|Arabidopsis thaliana peptidyl-prolyl cis-trans isomerase,
chloroplast / cyclophilin / rotamase / cyclosporin A-binding protein (ROC4) (ROC4) mRNA, complete
cds

GAAGCATGCAGGACCTGGAGTACTTAGCATGGCCAATGCTGGACCTAATACTAATGGAAGTCAATTCTTCATC
TGTA CTGTAAAGTGCGGTACCAACCTGTT

>trans_s_11455Z36880|Vicia faba var. minor mRNA for alpha 1,4-glucan phosphorylase L isoform
precursor (VfPho1 gene)

TGAGTACCCAGGGGGACATCCACCCAGCTTTTCAGTGTTAAGGACCCAGTCCTCTGAGCCAATCCAGTTTGTTA
TAAGTTTGCTTAAATCAGGATTGCAGAA

>trans_s_11456NM_001058449|Oryza sativa Japonica Group Os03g0851300 (Os03g0851300)
mRNA, complete cds

CAAGTTCGTCTGTGTTTAGACCGTCAGGATTATGTTTCGTGCTCAGATTCTATCAAGGAAAATCAGTCCAAGAGT
TTTTGATGCTGATCCTACAAAGGAGAAG

>trans_s_11457NM_001065019|Oryza sativa Japonica Group Os06g0701400 (Os06g0701400)
mRNA, complete cds

GAACAACGGGCAAGAAGGGCAAGCTCTCGTTGGTGATGATGTGTTGTTGAATGAAGATGACTGCGCTGCGCT
CTGCGCTTGGTAAAAGAGTTATTTATCCGT

>trans_s_11458AM167905|Nicotiana benthamiana mRNA for ALY protein, ALY1693 allele

CCAAATTAGAAACATAAAGCTTGGTGCCAGTTTCAATAGCAGAAGCCCGTGGAGGATGTGAAGGATAAGCCG
CACCGTGATCTACAAACATGTCGTGTGACC

>trans_s_11459Z70524|S.polyrrhiza mRNA for PDR5-like ABC transporter

ACATACCTCCACCTAGTAAGGTTGCAGAAGACTCTAATGGACTTGATACCTGGAAACACATAGATGAACTTAG
ACCAGTTGATACACCAGTATCGTTATCAG

>trans_s_11460AY104012|Zea mays PCO117908 mRNA sequence

CAATCATCTGGAGTTTAGCATATTCATGGACACAAATTCAGCGAAACATGGAGCCACAGTTACTGTTTAAATC
TCTTGATAAAGAAGTCTGATGCGCTCGC

>trans_s_11461NM_001068695|Oryza sativa Japonica Group Os08g0500800 (Os08g0500800)
mRNA, complete cds

ATTGAAACAACGAATGTCAAGTAAGCCTCGGGGTGTGCTGAAACTACCAGAAGGGCCCTATGTATTTGTGAA
TTTCGGGTGTCCTGGGGGAACCCCTTAAC

>trans_s_11462EF150645|Populus tremuloides serine hydroxymethyltransferase (SHMT9) mRNA,
complete cds

GGGCGCCTGCTGCCTGGGCATGAGGGCAGCGGGTTATAATCATCACGCCTACTCTGCAAGCTGGGCCAACCT
CCAACCACATTAATGCCCCGTTTGAGTTA

>trans_s_11463Novel Gene

GAATAGTAATAACAACAACAACACTCAACACCAACAACAAGTTGATGTCAAGAAAGAACTCACCTCATGCA
CCGCTAGCGTGAGCGTTCACATTGTTCTT

>trans_s_11464XM_002882114|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nodulin family protein, mRNA

ACATTGGCACTCTCATAACAGGGCTCGGTTACGGGGCTCACTGGGCCATTGTACCTGCTACTGCCTCTGAATT
GTTTGGCTTGATTTTCCCAATATCCGCG

>trans_s_11465AJ300216|Nicotiana tomentosa 5.8S rRNA gene, internal transcribed spacer 1 (ITS1)
and internal transcribed spacer 2 (ITS2)

CAATAGACAGATAAACTGCAGGGGCTGCGGTTCGCGTCCGGTGGCGGGGCGTCTAAGGGGAGTTGTGCGTAC
TAGGAACCCCAACCATTACTAAGGGGACAT

>trans_s_11466NM_001064034|Oryza sativa Japonica Group Os06g0317400 (Os06g0317400)
mRNA, complete cds

CACAAATCCCACTCCAATGAAGGTTTCTTCCATTGATGACTCTCTGTTTTCTGCAAGGGACTTGTTGGATCCTC
AACCACCACAACCACCCCAAGTG

>trans_s_11467CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

ATAGGGTGCGAGCTGTAAAGCCAGCAACGGTCTCAGTCGAACTTCTGCATTAAACAGAGCAGAAGATGGAG
ACCACCATTCTCACATTACAAGAAGTGGAG

>trans_s_11468NM_126761|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L5 (RPL5) (AT2G07725)
mRNA, complete cds

CCATGAAATTCTCGATGGAAACGGAGTTTTTCGAATTCTTCCCGGAACTGGCAGATCATTTGAGATCTTCTCT
AAGACTCTAGGGTTCCCGTGTGATAAC

>trans_s_11469XM_002319167|Populus trichocarpa histone acetyltransferase (HAG907), mRNA

CGATAGTTCTCGCTTTCGTCTTAGTCAGATACTTGTACTTCCGCCTTACCAGCGTAAGGGTTTTGGGCGCTTCC
TTTCGAGAGTGCTCTGCGATGTTTCGTAT

>trans_s_11470NR_022376|Arabidopsis thaliana (AT1G67328) otherRNA

AAGTCCAGTTTCAGTCGATAATCCATTACGCAACCTCGAAGACAGTTCCACAACAATCAATCGACGAGATCCAT
ATCTCGTACGACGTATTGAAGGTACGCG

>trans_s_11471NM_105287|Arabidopsis thaliana U-box domain-containing protein (AT1G66160)
mRNA, complete cds

ATTCCGACCCCGCGGATTCCAGTCTCCCCGTATGAAGTTAAGGAGATTTGTTGAGAATATCAGTCGCGACTC
AGGAGGATAGCCCAGGAGAACATGGCAGG

>trans_s_11472XM_001690596|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTCGAACCCTCAGCGACCTCCACCCTAGGTCGCGTTAACCCTGGAGTTAAGATCGCTGGTTGTCTAATTGCT
CTCTCTCTGAGTTGACTGCTCGACGCCC

>trans_s_11473NM_001069515|Oryza sativa Japonica Group Os09g0361100 (Os09g0361100)
mRNA, partial cds

AGAAACACCTATCATCTATCGTGATTTCAGTCATCAAATATCTTGCTTGATGCAGACTTCAACGCAAAGCTTTC
AGATTTTGGCCTTGCCAAAGAAGGACC

>trans_s_11474XM_002888802|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ABC1 family protein, mRNA

TAGAACAAGAGCTAAATATACCTTTGGATGAGCTTTTCTCTGAGATATCACCTGAGCCGACTGCTGCAGCATCT
CTTGGGCAGGTTTATCAAGCAAGGCTTA

>trans_s_11475XM_002302939|Populus trichocarpa DELLA domain GRAS family transcription factor
rga-like protein (GRAS87), mRNA

AGCGGGTTCGAACCGGGAAGTGAGGACGTGTTGTTGTCGGAGGTTTATTTAGGGAAGCAGATATGCAACGT
GGTGGCTTGTGAAGGAACGAACCGAGTGTCT

>trans_s_11476FJ834456|Pelargonium x hortorum argonaute 4-like protein mRNA, complete cds

AGGTAGAGGCTCGCTTTGCTGCTAAGATACCGATGCAGGCTATAGCAAGTGCTTTACGTGGTCAGGAATCTGA
GAATTTCCAAGAGTTGGCAGAAACACCAC

>trans_s_11477DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

GATGTTTGGATTTTCAAAGAAGTACCTGTACGTCTTCTCTTTATGATAGGGGTGAGCCTGGTTCTGTATTGA
AAATGAACAAGTTTATTGTATTAACCAC

>trans_s_11478EU915107|Cremolobus subscandens phytochrome A (PHYA) gene, partial cds

TAATGGGTGGAATACAAAGATTGCTGAATTGACTGGACTCCCTGTGGATAAAGCTATTGGCAAGCGCCCATCC
GTACCGACAAGGCGTACCCCTGTACTTGT

>trans_s_11479Novel Gene

AGGCCCTTCTTATTGCTGGTACATTTTTCTAAACCGCCGAACCGCACGCTAGGGAGACGACGCAGAGCGGGG
AATGCCCTTAGCACATCCGACTTTTATTAT

>trans_s_11480Novel Gene

GGTGGTACCCAAAGGAACAGTCAAGAGCAGAAGATCCCTCAAGCTAATTTTTCGAAGTCAATTGGTGGTTCAT
CTATTAAACTTGCAATGAAAGATGAAACC

>trans_s_11481NM_001061290|Oryza sativa Japonica Group Os05g0168500 (Os05g0168500)
mRNA, complete cds

AGTCTACCTCTGTACTACCGAGCCTTTGAGTGAGGATCAAGTGAAGCTTTTGAAACACAGAACCCGTGATCTCT
AGCAGCAATTCATGATACTGGATAAAAA

>trans_s_11482NM_001065125|Oryza sativa Japonica Group Os06g0716700 (Os06g0716700)
mRNA, complete cds

GGAAGAGTACACTAAATTCTACCACTCTCTTGCTAAGGATTTTGGTGATGAGAAGCCTATGTCTTGGAGTCACT
TCAATGCAGAAGGCGATGTTGAGTTCAA

>trans_s_11483XM_002315347|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

AGTTTGCATACACTGGAAAGGAGCGGCAGAGATGGTGTATCTTCGTGTACAAAGTTTATGGACTTGAATGGT
GAAGTGCACTCAATAGAGGACAATGAGGA

>trans_s_11484XM_002866204|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl hydrolase family 17
protein, mRNA

GTTCCATAATCAGCATCGAAGAGCTTCACTTTCTGAATCTGATTGTCTCTCAACATTCCAACAACGGTCTCCGGC
GGCAACGGATGAGACGATTGAGTTCCC

>trans_s_11485NM_001061965|Oryza sativa Japonica Group Os05g0388600 (Os05g0388600)
mRNA, complete cds

CAACTATTCTACAATGGGTGGCATTGGCGGGTACCTCCTTTTCGTTTCTTCAGAGAGTTGGTGCTGTGGTGCG
TAATGGGGCCAACTATTTGCTGTAGGG

>trans_s_11486NM_001072429|Oryza sativa Japonica Group Os11g0181100 (Os11g0181100)
mRNA, complete cds

CAGGTGCTCAGCTTGCAATTGCTTGTCTGCTTGTCATCCTATTGGCAATTGTTGGAATGTTGTATGTTGGGAGA
GGAGCCCCGGTGACACCAGGGTGCCACGC

>trans_s_11487Novel Gene

AGGCTAAAACTGCCACTCCTGTGTCCTCTGATGGGAATTATCAAGTGGTCTTACCTGAAGCCTCAATTCCACCA
CTTCTATTGGGTTAGGAAGTTCTTCCA

>trans_s_11488XM_003074651|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g06340) mRNA,
complete cds

CTTCGGAGGATTCTTCGCCCTCCAGGTCCTCTCGGAACCTTGGCCCGTGACTCCAAATACGGCAGAGGAAAC
CTCCCTTCAGAATCGAATCCGAAGATTTT

>trans_s_11489FJ373209|Poncirus trifoliata MAX2-like protein mRNA, partial cds

CGAGGAGACCCTTCCGCCGATGGTTTCACCCCTGAAGACGCAAGGATTAGCACAGCTACTCTGATTGAGCTAT
TTCCGGGGCTGCCATTGCTTGATCTCATG

>trans_s_11490AJ515535|Antirrhinum hispanicum slf-S1E gene for S locus F-box (SLF)-S1E protein
and slf-S1 gene for S locus F-box (SLF)-S1 protein

AAAAGCTCTAGAGGAAGCACATGCAGGCATCTGTGGAGCACATCAATCGGGACCAAAGCTTCAATTTAGTT
GAGAAGAATGGGCTATTATTGGCCTAAGAT

>trans_s_11491XM_002882552|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TCTTGCGAAGCTTATTCCAGCCAGCATGACTCACGTCAGTACACGAGTGGCAGGAACAATTGGTTACCTAGCT
CCGGAATACGCATGCCTAGGGCGAAACGT

>trans_s_11492GU188475|Fragaria vesca blue light photoreceptor (CRY2) gene, complete cds

ACCCATTGGTTGATGCAGGAATGAGAGAGCTTTGGGCAACAGGATGGATACACAACAGAATTAGAGTGATTG
TTTCTTGCTTTGCAGTTAAAGTTTTGAGGA

>trans_s_11493NM_001063021|Oryza sativa Japonica Group Os05g0590100 (Os05g0590100)
mRNA, complete cds

GCGGGGCGGGCGGCGAGCGTGGCATAACTCGTGGAGCGTTCGCACCTAGGGGGCCGTAGGGGGGCCTCCG
CCCCCCAGCCTAAAGTTGTTCTGAAAAAAC

>trans_s_11494D88122|Vigna unguiculata mRNA for CPRD46 protein, complete cds

CAGACAACTGAGTGCAATGCATCCAATCTATAGACTTTTGCATCCTCATTTTCGATACACCATGGAGATCAATG
CACTTGCTCGTCTATCTCTCATCAGAAG

>trans_s_11495NM_001067140|Oryza sativa Japonica Group Os07g0673100 (Os07g0673100)
mRNA, complete cds

GTCACACCAGCTGGGAAAGTAGTATGGGGGAAGTATGCTCAAGTGACCAATAATCCGGAGAACGACGGTTGT
ATAAATGCTGTTCTATCCAATCGGGTGGGG

>trans_s_11496AB376092|Hevea brasiliensis mpbqmt mRNA for 2-methyl-6-phytylbenzoquinone methyltransferase, complete cds

ATTTTTTCAAACAAAAACAGTCTGATATGAGGGATGAAGCTCTTGAGCCTGCGGATCTCAACAATAGAAATA
TGATTGTGGTGGATGTTGGTGGTGGCACG

>trans_s_11497NM_001055503|Oryza sativa Japonica Group Os03g0148700 (Os03g0148700)
mRNA, complete cds

GTTGAATTAGTCACAGGCAGGCGCCCTATAGAACCCAAGCGAGAACTTGAGCAGCGGATCACTCCAAAATGG
GCCAACTTCTTTAAAGCAAAGTGAGAACA

>trans_s_11498NM_001066612|Oryza sativa Japonica Group Os07g0575100 (Os07g0575100)
mRNA, complete cds

GGGGTAAGGATAGAACAGCCGAGGAGAGGAGAATAGCAATATGTATTTTGTATGATGTTGTGGAACATTGCC
GTGAAGCAGCCCTCAAACGTCGTGATACAC

>trans_s_11499XM_002304310|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,
ABC transporter family, mRNA

AAGAAACAGCATCTCTGCAACGACATCCCTCGTTTGGACAGTTGGGTCGACCACCTAGTATAAAGTACTCTCG
AGATAATAGAGCGTGATGTTGCTCGTTTG

>trans_s_11500AJ320241|Polytomella sp. 'Pringsheim 198.80' mRNA for glycin-rich RNA binding
protein (rnp gene)

GATACATTTGGGTCTGGCAAGTCCAAATCATCGAAAGCCGATGGCTTCCTTGCCGATAATTCAAAGTATAGAT
CACATCCGAAGGACGTGAAGACAGGATCC

>trans_s_11501X75898|S.oleracea pgm mRNA

GATCTTGAAGAACCTTTGGAGTCTGCGGAATTGAGATTGAATGTGATTCTGAGCCAAGTTTTGCTAAAGAGA
AGGCTGTGGAGGTTATTGAGACATTTAGG

>trans_s_11502HM856826|Maddenia incisoserrata voucher Wen11291 NdhF-like protein gene,
partial cds; chloroplast

GAGGGACGGAGGATAAATATAATATATAATTGGTCATATAATATGTTGGCACGCTCGTAGGGGGCGATCCGC
GAAGGCCGGTTTTTGC GCCTCCGCGGCTAG

>trans_s_11503NM_116727|Arabidopsis thaliana PDF2 (PROTODERMAL FACTOR 2); DNA binding /
transcription factor (PDF2) mRNA, complete cds

GAATCAATGGTCAACAAATTCACATGGATTGTGTCAAGAGCTATGACATTAGAAGTATTATCAACTGGCGTCCG
CTGGAAACTACAACGGAGCATTACAAGTG

>trans_s_11504FJ859031|Carica papaya cultivar Ekotika beta-galactosidase pBG(a) mRNA,
complete cds

GCAGGACTTCTGGTGGACCGTTTATTGCTACTAGTTATGATTATGATGCTCCTATCGATGAGTATGGATTGGTT
AGACAACCTAAGTGGGGTCACTTGAGAG

>trans_s_11505EF208125|Cucumis sativus chloroplast HSP70 gene, complete cds; nuclear gene for
chloroplast product

TATCGATGCCAATGGAATCCTCTCGGTTACTGCAATTGACAAAGGCACAGGCAAGAAGCAAGATATCACCATT
ACTGGTGCTAGCACATTGCCAAGTGATGA

>trans_s_11506AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

GAGATGGCTGAGTGGACTAAAGCGTCGGATTGCTAATCCGTTGTACGATAAAAAACAGTATGTAGGGAATAG
TCGCGCGTTCACTAGCGAGAGAGAGCACAG

>trans_s_11507AY106719|Zea mays PCO096996 mRNA sequence

GGAGCTCAAATACCACTGGAACAGGTGCCATCAGTCCAGCAAAGGTCGTCCAAGTGTGCAGACAATTAAAT
AAACCAGTTATTGTTGCTTCTCAGCTGCTT

>trans_s_11508XM_001691995|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CCACGACAAAGCCGAAGAGGGACACAAAACAAGCCGCCACCACTGCCGATCGCCGCACCGCTTGCAACTGCT
GTGCTCTATACATGGTGCAACAGAGGTATA

>trans_s_11509AC007627|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F15F15, Chromosome
V, complete sequence

AAGAGAGATTATTTGAAGTGGTAGGGTTAGAATAGGAGACAGACAGCATGTGCTTGTGCACGGTTTCTTACC
GTTACGTGTCTGGGTGTGACTGGGTACCAC

>trans_s_11510AY024288|Oryza sativa microsatellite MRG6613 containing (TGTA)X8, genomic
sequence

CGTTTATGGGTGTGTGCGTATACATACATACACAAACATACACATACATAAGCAAGCAAGCAGAGCAGAGGC
AGGATATTCAAATGGAAGTGTGATCCCTTT

>trans_s_11511CP000590|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 10, complete sequence

AATAGCCTCGCATCACGCCATGATGAACGTGCCAAATGCGCCGATAAATTCGCCTTGCTCCGACACCTACTTAT
TTTGGTACTCGCGTGGAAGCCGTACGC

>trans_s_11512Novel Gene

TGTATCGAGCAATTAATGATTTTTCGGGTACAAGAATTTGTTGTAGCACATTCAGCATCGCGATATCTCAACCC
GTGAAAGAGTTTTTCTTCTTAGAGAGA

>trans_s_11513GQ998313|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 cytochrome b6 protein
(petB) gene, complete cds; chloroplast

TCAGAGGTTACGCGCAGAGGCCCTACTCTACGTAATCTGGACAGAAACACCCAAATACCGCTCGTAACGGATA
TGTGTACTAGGTCGATACGCACAGCGCCT

>trans_s_11514XM_002884952|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNA binding protein, mRNA

AAGTTGAATCCAATATTGAATAATAAGATATCGACACTATTTAGACCTAGTGAGAGTAAAAGAATAAGAATGA
AAAAAGGAACTTGCTGGGAGAAGCTCAG

>trans_s_11515NM_120361|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT5G02830) mRNA, complete cds

GCTCCATCTCATGAACATCAAATCAGCTGTGTAGGGAACCTTTGCTTTTAAACCTACAGTTACAACATATAATAC
TCTAATGAAAGCCTGTGGTACTGATTAC

>trans_s_11516AB489994|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitRCCR mRNA for red chlorophyll
catabolite reductase, complete cds

CCCCAGTCTCATGCTTCATCAAAGACTCGTTGAATAGCAGCCACTACTCTATCAGCTACTTCCTGTCCAAACAAT
CTTGCGAACTAGAACCCAAATCTATG

>trans_s_11517AY104581|Zea mays PCO117879 mRNA sequence

AGAAAACCTTTGGGTATCCTCCATCAGCTAAATCTCACCGTTTCTAACTTCAATGCCGCCTATCAGCTACCTCTTT
TACAACGCCTTATAAGAGATCAAAACC

>trans_s_11518AY103550|Zea mays PCO151000 mRNA sequence

GCATGCAAAAGCTGCTCATTGTCATGCAAAAGATTAGACCAGAAAATTGCTCCAATGCTAGAAGCAGATGGAG
AGCTATTCAACAAAAGGTGGGGTTTTCTTT

>trans_s_11519DQ465410|Vitis vinifera KUP2 mRNA, complete cds

GCGCGAGCGCTGGATACACCAAAAATGTGAAAGCAATCTGTATTGCAGTGTATGAGAAGTGACCAAGATCAG
CAAACATCGCTTCTGAGCCTGTTATGCATA

>trans_s_11520GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

AGGAAATATGGTCAAAAAGTCACTAGAGATAATCCTTGTCTAGAGCTTATTTCAAATGCTCTTTTGCTCCTAG
TTGCCCTGTTAAAGAGAAGGTTCAAAGA

>trans_s_11521AY111716|Zea mays CL23538_1 mRNA sequence

GGGGCTGCTTTTATCGTCTTCACATGTGTAGCATCAGAGCTGTTCTATGTTAGCTTTTCCAAGGCTCATATCGA
GACTAACTCCTTTGCCAAAGACTGGC

>trans_s_11522EU375892|Nicotiana benthamiana PHO2 mRNA, complete cds

AAAGTTGATGTGCTATGGCAGGATGGTAGCCGCTCCACAGCATTAGATTCCCCTGTTTAACTCCAGCAAATG
CTACGAATGCTCATGAATCGGTAAATTCT

>trans_s_11523D86853|Catharanthus roseus cyc15 mRNA for extensin, complete cds

AGTGAATGAAATGATGTGAGCGCCTAGATTGGTGGCAGCGTTGGAGCAAAGAAATAGGATTACCTTGTGAG
GTCTATGGACGTGTATGGTACATGTGTGTC

>trans_s_11524Novel Gene

CAAGAGAGGAAATGTCGATGCTAGCACTGCTCGAGGTGATAAAGCTGATTCCCATGCAGCAGATTGCCCTTCA
ATGCCCTTAAACTCTCACATAACATCATC

>trans_s_11525X72616|A.thaliana mitochondrion gene rp12 (last exon) and OrfX

CCCGCAACTAGATACGAGATACTTGATCGAAATTCTCAAATAGGAAATTGCATACCATTGCGCGATAGTAGTA
TATATAGGAAATATGCTAGTTTCAACAAC

>trans_s_11526XM_002866533|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UVB-resistance 8 (UVR8), mRNA

GGTCACACTACAACCATCTACGCTCAAAGCTTCGAGGATCATTGGTGTGTTCCGATCAACTGACTCTCCATGTC
CAAGCTGTCCATTTGTACCTCTACCCCA

>trans_s_11527NM_001186861|Oryza sativa Japonica Group Os04g0202350 (Os04g0202350)
mRNA, complete cds

GCCGCCTCCCATGGCTGTGCGGGTGAACCAAGTAAGGTTGAACACAAGCTGGAAGCCAGAGCCCGTAGTGTT
ACTTGCCAGTAAGCTATGTTTGTTGTTTC

>trans_s_11528XM_002892031|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata basic helix-loop-helix family
protein, mRNA

ATAAGCTGTCGGATCTGGTGGAGAGACCCAACGCTTCTAATTTTCAGCTGGAAGCTATGCAATTTTCTGGCAACT
GTCAGTAAGAAGCAGCCTGACTGTCAGGT

>trans_s_11529DQ069787|Sesamum indicum cytochrome P450 monooxygenase mRNA, complete
cds

CCTTACCATATGTGTGGATGGTGGGATAAGAGGAAGGAGTGGCTCGTGAAGCAATATCATGGGAGAAGGTC
ATGGACTGCGATCTTGCTTGCCGGACAGCCA

>trans_s_11530GQ997366|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 ribosomal protein S18 (rps18)
gene, complete cds; chloroplast

ATCCGCGGGGGAAGGTGGACAGCCGCCGATCTCGGCTAAACTCATGTTTCTATAATCAATTCGATAGGGGCT
ACCCTAGCCCCCGGAACGCCTACGAAAAG

>trans_s_11531FJ529185|Brassica napus ubiquitin 10.2 (UBQ10.2) mRNA, complete cds

GACTGGAATATTTGTGAAGACCCTTACTGGCAAAACCATCACTCTTGAGGTGGAGAGTTCTGATACCATTGAC
AATGTCCCTGCTAAAATACAAGACAAGGA

>trans_s_11532XM_002877473|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-2 (TUB2), mRNA

TGCCAAGTTCTGGGAAGTGGTTTGTGCTGAGCATGGAATCGATCCCATCGGTAAGTACACTGGTGATTCCGAT
CTTCAGTCCAGTTAAGCCGGCACGCGCCG

>trans_s_11533XM_002890581|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATCUL3/ATCUL3A/CUL3/CUL3A, mRNA

GGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAATGATGCTTTCCGTTACCTTCAAGAGAAAGATGTATTTGAGAAAT
ATTACAAGCAACATTTGGCCCCGAATTA

>trans_s_11534EF469873|Helianthus annuus RFLP probe ZVG14 mRNA sequence

CCAAACGACTAAGATTTGCCAAGGAACTATGGAAATTTTGTACCATTGGCCAATCGCTTGGGAATATTGAG
TTGGAAGGAGCAGTCGGAAAAAGGCGATC

>trans_s_11535NM_001049445|Oryza sativa Japonica Group Os01g0327600 (Os01g0327600)
mRNA, complete cds

CCACGGTGCCTCTCTATACAAAAATCTAGAGCGTAACTTTTGGGAGGATGATTATAGTAATTTGTAATACATAC
TGGTATTAGAGCGCATCGCCGGCAGAAG

>trans_s_11536AF068686|Glycine max geranylgeranyl hydrogenase (Ggh) and nodule-enhanced
malate dehydrogenase (Mdh) genes, complete cds

GGAGAATGGGAAGAGAATGGTGGAGGAATCTGACTTGAGGAAGTACTTAGAGAAATGGGATAAAACGTACT
GGCCGACTTACGGGGTGCTGCATGTGTTGCA

>trans_s_11537AF078683|Arabidopsis thaliana RING-H2 finger protein RHA1a mRNA, complete cds

AAGTGCGGTGAGCTTGACTAGAGATAGCAAGCCACCTAATTTACTCAACATATGGCCAGAATCAATGTAGGC
AACAGGGAAAAGAGGCAACCAGAAGGACC

>trans_s_11538XM_002881467|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PHD finger family protein, mRNA

AGATGAAGCTACAAGGTATTATTAACGGCGGAGGTTACATGTGCGGATGTTCAACATGCAATTTTACAGCTAT
CCTTAGTGCTTATGAGTTCGACGCTACGT

>trans_s_11539NM_001124042|Arabidopsis thaliana ZW18 (ZW18) mRNA, complete cds

GATCCGGTAATAGTTATGGAGTATGGAAGATTGACGATACAGACAACAGTTTCTCTACACAGCCTTTCAAGAT
CAAGTATGCAAGGCAGGATATACTTCTGT

>trans_s_11540EU558449|Sphagnum sp. Lafarge Swamp 28-07-02 NADH dehydrogenase subunit B
(ndhb) gene, partial cds; chloroplast

CGGGGAATGTAGCCATAGCTTTTGTACAATTTAAGAATGTTTCAGTTTTTCCACTTTCACCCTTTTCCTTTGGCTT
TGTCTCTTGTGGTGCTTCTTCTCTT

>trans_s_11541AJ001374|Solanum tuberosum mRNA for alpha-glucosidase

TCCTGAGGCGCACAATTCCGTCTTGATACACGGAAAGAGCAAGTAACAACGGCTTGGATGGATGATCTGGGT
CCTGATTCCTAGGGAGGAGCTTAGCAGTGA

>trans_s_11542NM_111003|Arabidopsis thaliana ATCFM2 (CRM FAMILY MEMBER 2); RNA binding
(ATCFM2) mRNA, complete cds

ACTAAACGGAACAACAGGGAGTAAGAGCCTGTTCTGCAACATCATGGACAGTTTTGAACTTCTCTCATTAG
TAATTATCTTCACAAGTTCCTATACTTC

>trans_s_11543NM_122590|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein (AT5G27080) mRNA,
complete cds

TAGTGCTACTCATTTGGAAGGGTTCAGCGTGGACATCCATGTCTATTAAACCAACTCAGAGGTCACAAGTTTTTC
TGTACTTACCTCATACTATACTATGGGC

>trans_s_11544L38520|Arabidopsis thaliana diminuto (DIM) mRNA, complete cds

CATATTATTCAAGACATGCTTATTCTCTTTACAAGGTTCCCGATGCTTTGGAGTGGGCTCATCGTGAGTTTGA
GGTTTACCCTGTTTGGCTCTGCCCACAC

>trans_s_11545X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

GATGACCCGGTATTCTTGGCATTGCAGGGGCCATATAGGGGCTGCCTGAATTACTACTCGGATCGAATCGGA
GCGACGAAGGGCTGAATCTCAGTGGATCGT

>trans_s_11546XM_002871991|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata HCF136, mRNA

TGACGGAGTGGGAGAGACTTTACCTTCCTATAGATCCTGGTGTGTCCTTCTCGACATTGCTTTTGTGCCTGAT
GATTTGAACCATGGCTTTCTGCTTGA

>trans_s_11547AF420435|Glycine max ABC transporter-like protein mRNA, complete cds

GATGACAGAGGTTGCGAGTTCAGTGGTGCACGAGGTCCTTGGACAGAGAACTCAGGACGTGGATCAGCCCAT
CATCGACTACATCGTTAACGTTCTTGCTGA

>trans_s_11548AF102626|Campsis radicans NADH dehydrogenase subunit (ndhF) gene, chloroplast
gene encoding chloroplast protein, partial cds

TTAAAAATGCTAAGACAAGATAATAACTAAAATAATGCAAACGTCTATTATGATACATATATTTTCATGTCGAA
CTCGTCTGCCTGAACGGGCGCCGGCGAT

>trans_s_11549X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

GATGACCCGGTATTCTTGGCATTGCAGGGGCCATATAGGGGCTGCCTGAATTACTACTCGGATCGAATCGGA
GCGACGAAGGGCTGAATCTCAGTGGATCGT

>trans_s_11550NM_122399|Arabidopsis thaliana CYP714A2; electron carrier/ heme binding / iron
ion binding / monooxygenase/ oxygen binding (CYP714A2) mRNA, complete cds

GGAGAAGATGCCAATAAGTTCAAGCCAGAGCGGTTTGCAAATGGCGTAGCTAAAGCGTGCAAGTTCCTCAG
GCCTACGTGCCATTTGGGGCAGGCGGATCG

>trans_s_11551AF029781|Peperomia griseoargentea DNA endonuclease gene, complete cds

TAGAGTCTTATAAGGTAGTATTTGGAGGAAATATCCACTTTTCTAGTAGTCAAAATGGTTACTATCAATGGTCT
GTACAAAGTCGAACTCTACAAGAGTAAG

>trans_s_11552NM_001051980|Oryza sativa Japonica Group Os01g0957100 (Os01g0957100)
mRNA, partial cds

AGATTGGTGGTGGAGTTTTCGGAACGGTTTATAAGGTTTCATTGGGAGATGGAGGAGATGTAGCTATGAAGA
AGCTTGTGAAATCAGACATTATTCAAAATC

>trans_s_11553XM_002866732|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA binding protein, mRNA

GGAGGCTTACGTGGAGTTTGCTTCAGCAGAGGAGGCAAAGAGAGCAATGAGCAAGGACAAGATGACAATTG
GATCAAGATACGTGGAGTTGTTTCCTTCAAA

>trans_s_11554AY090450|Arabidopsis thaliana AT5g06970/MOJ9_14 mRNA, complete cds

TTACACCTGCTTTACTTGGGTACTGTTTCGCCAGTTTGTTATTACATCCGAGCAAGGCATGCTGCAACATGCAA
TCGAGCAATTGAAGAAAGTACCACTGAA

>trans_s_11555DQ118024|Oncidium Gower Ramsey chalcone synthase (CHS2) gene, complete cds

CTCCAAACCCTCTTTCTTTCTCCCAAACACTTTCACTTTGGTGCACAACGTTCTGGATAGGTTTCCATCGTCAT
GGGTTTCCGACGTGGAGTATGTGGCA

>trans_s_11556XM_002331249|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

AGAGGCCGGACAGGAAGAAATCTGCAGTGGATGAGAAATCTCCTTTGTTACCAAGTAGACAAGATGACGGTT
CTGGGGTTAATGAATTCAGTGGAGCTTCCC

>trans_s_11557Novel Gene

GACGATAGCTTGAATTTCCGGGCGCCAGGCGAGGGCGTCAACTCATCTGGAGTAGCTTACTCTGCTGCGACCT
GAATTTGATTCGGCCGGCATAGATCTCAT

>trans_s_11558XM_002886214|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata integral membrane Yip1 family
protein, mRNA

AAAGAAAGAAAATGGCAGCGATCACCGGTTCTTCTATGGCGGCTACGAAAGCAGTGAAGTCACTCACCAGAAA
TCGAATCGCCGACTTGAATCGAAGAAGTTC

>trans_s_11559NM_001066612|Oryza sativa Japonica Group Os07g0575100 (Os07g0575100)
mRNA, complete cds

AATGCAATTGGGCAGTTATCTACAGACTTGGGTCCAGATCTACAAGTTCAATACCATCAGCAGGTGCTCCCTG
CACTTGCTACGGCAATGGATGATTTGGTC

>trans_s_11560BT010361|Arabidopsis thaliana At1g63770 mRNA, complete cds

AGTGACGGTCTATGAGAAGGGTGCTGAAGTCGTGAGGATGTACAAGACCTTATTGGGAAGTCAAGGATTTAG
AAAAGAAATGGATCTTTCAAGTTCCTCCTGT

>trans_s_11561X15936|Pea PSU2 gene for U2 snRNA

TATCCGTTGCCGAGAATCTTTGTTAGCAAGCTATTGTGTTGGGCTCTCCCCCTAAAAAGATTAATTTAATATCAT
GTGGACCGATGGCCACGTATCAGATA

>trans_s_11562NM_001057790|Oryza sativa Japonica Group Os03g0747100 (Os03g0747100)
mRNA, complete cds

AGGTAAGACGAAAGTTCGGGGAGCTAGGCAAGGTAGCGTGGGAGTGGGTGGACGGGCTTCCGCAGGCCTT
GGAGCGTGTCTTCCGCCGGCCCTTAATTCC

>trans_s_11563DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

GCTGGGTTTGTGCGCATCAAGTCAGCGATTTGATTTCACTGAGCCTCTGCTGGAGACAGCGCCGCCATCATTAT
GCCATTCGTGCAGAACTAAGGTCCGTTT

>trans_s_11564XM_002864531|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cinnamoyl-CoA reductase family,
mRNA

GGTGGTGATTAATCCAGGCACAGTCATGGGCCCTGTGTTTCCTCCCAGAATCAATGCAAGCATGCAAATGCTT
TTAAACTTCTCGAGGGGTGCAGCGAGAC

>trans_s_11565AY714375|Aegiceras corniculatum aldehyde dehydrogenase mRNA, partial cds

AAAGTTGGTCCTGCTTTAGCTTGTGGCAACACCATTGTCCTAAAACTGCAGAGCAAACACCTCTGACTGCTCT
TTATGTGGCTAAGTTATTACATGAGGCA

>trans_s_11566Novel Gene

AAACAGGGTTAAAAGCCACCGCGATTCAACCTTCGCGAATTTAAATTTGGTAGAGGTCAGCGGCTAAAAGTT
AGTGGGTCAAGGGGGTCATCGCGCGATAGC

>trans_s_11567XM_002864198|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH-dependent glutamate
synthase 1 gene (GLT1), mRNA

TGGTCTTTATGATCCTTCGTTGATAAGGACTCCTGTGGAGTTGGGTTTGTGCTGAATTATCCGGCGAAACCA
GCCGCAAAACGCGGCACTCGTAGGGTTC

>trans_s_11568XM_002880292|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata sister-chromatide cohesion protein
3 (SCC3), mRNA

ATGTACTCCTCCGAGGGTTTATCGTCAAGTAGCTTCATTGATGGGTCTACAACTTGTTACATCTTTCATTGGTGT
TGCCAAAATGCTTGGTGTGTTGCACT

>trans_s_11569NM_106534|Arabidopsis thaliana curculin-like (mannose-binding) lectin family
protein (AT1G78860) mRNA, complete cds

TAAGCGTTGGGTGTGGGAAGCCAATCGCGGCCGTCCAGTTCGCGAAAATGCCACACTCTCTCTCGGCTCCGAC
GGAAACCTAGTCCAAAGTCCCACATATTC

>trans_s_11570XM_001700885|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGGAGTTTTACATGAAGATGCAGTGAGCAATGGGACCGTAAATCATTCAAGGCCCAAACCTCTAAGCGGCAT
ACCACGCCTGTGGCACACCCCACAACGTGT

>trans_s_11571AB598414|Eutrema salsugineum gene for ATP-dependent zinc metalloprotease
ThFtsH8, complete cds

TCGTGGTCTTACCTGGTTCACTCCTCCGATGATCCAACCTTGATCTCTAAGCAGCAACTCTTTGCTAGAATCGT
TGGTGGACGCTTATTACTTTAAGCCGA

>trans_s_11572AB110955|Nicotiana tabacum NtPERK1 mRNA for PERK1-like protein kinase,
complete cds

ATGACTCGGGTTGAAACATGAGTATTAACATACTCCTCACCTTAGCAAGCCCCAAAATCAGCAACCTGAGCTTC
AAAGTTGATATCAAGAAGAATGTTAGAC

>trans_s_11573GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

AGAGAAAAGTTCTACTTGTAATGCCTTTGCTTTCTACTTCCATATCAAAAACCAATTTCAATGTATTATATTCTCC
TTTCTCAATAACATATAAATCACATT

>trans_s_11574XM_001695901|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GATTAACAGGGACGACTAAAAATGCCTACGCCCTGTGTCTCACTTTGAGGTCAGCGCGCCGACCAGACCGTG
GGGTGTTACCGGGAGGATGGGTACCCCGTT

>trans_s_11575AY607950|Herbertus subdentatus isolate CD71 photosystem II 32 kDa protein
(psbA) gene, complete cds; chloroplast

TTGCTGGAGCTTCTACTTCTCTGTTTACAGATACACTTTGACTAGGCACAGTACTTCCAGATTCATTCACAGCTT
CTTCATAACTTGGTGGAGCAATATTCT

>trans_s_11576DQ868740|Piper ossanum internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

ACCGAACGAAATCCAGGTTTAAGGCAATAACGGCTCTGAGAGTCTTATAGAGGGGACGACGACTCTCGGCAA
CGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGA

>trans_s_11577Novel Gene

AGTGGGATAGAACGTTGAGTGCGATAGCCACTGACGGTTTCTTTCTTTTCTTCTACCTTCGCTTCACGATAA
AGAAAGAGGAAGAAAGAACCCAGGTGAA

>trans_s_11578AC069327|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T26G08 From
Chromosome IV, complete sequence

TGTGTGGATTCAATACCGTCCTTTCCGGAACCTATTATTCTTCACTCAACCAGAGAACAACAACAGTCTCCTCAC
AAGGATCTGTGGCATGGTATATTAGTG

>trans_s_11579NM_117537|Arabidopsis thaliana acylaminoacyl-peptidase-related (AT4G14570)
mRNA, complete cds

AAGATGAACCAAAGGAGGATTTCCCTCTATAATCTAACTCAGAGCATAAGTAGTGCCTTCTTCTCGGTTC
AGCCCAGACGGAGGACCTTCCACGCCCC

>trans_s_11580Novel Gene

ACAGACTTATCATGAACCTCAAGGACAAAATCCTGAGATACCATCAGCACAGTTGAAAAGTAAGTTAAATGAT
TCACTTGAGAAAGAAATTCATGAGTCTTC

>trans_s_11581FJ594399|Glycine max acetohydroxyacid isomeroreductase mRNA, complete cds

GCCATTTGCAATCATTGGGGCTTGATTCCCTAAGAATATCAGCGTGATTGCTGTTTGTCCAAAGGGGATGGG
TCCCAGAGTGTGAAGAGTCCCGCACGTGGG

>trans_s_11582Novel Gene

ACCAGTGGAGATCGAGAAAGATGCCGGAGGAGGCCATGCTAGCAGTAGTTCCAGCGGCTCAAGTAGTTCTA
GCAGTGATGATTCTTCCTCTCTGTGGTAGTC

>trans_s_11583NM_128981|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related
(AT2G34300) mRNA, complete cds

CGTGTGGTCTGCTACACCAGTCTATCAGAAGAATGCAGAAGATGCTGGAATATGGAATGCCATGAAAGAACT
GACGAAAGCAATGTGCTGGGAACCTGTATC

>trans_s_11584AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

TTAAGTTAAATAAAAAAATGAATTGGACTTCCTCATACATTTGGCTTTTGTGAGAACCATTTGAATCAAGTAAT
GTAGTGATTCAAGGCGTAACGATCTGGG

>trans_s_11585AM411448|Solanum tuberosum subsp. tuberosum mRNA for Ran GTPase-activating
protein 2 (ranGAP2 gene), cultivar Desiree

ATAAAAGTGATCCAGGCCACAATTTGATAGAAAATGGCCTACGTTCTGGATTTTGGTTACAGAGTCCATGAT
CAAACGTGCTTGAAATCTATCCGCCTGGT

>trans_s_11586CT009735|Triticum aestivum

TGTTACCACTCAGCCCACTCACATGCAAAGGCCGTCGATGCATAATCACCTCCGCAAGACTTCTTGGAATGAGC
TTTTTCAATTTTCTGATCGAAAGAGGTC

>trans_s_11587NM_001063547|Oryza sativa Japonica Group Os06g0186700 (Os06g0186700)
mRNA, complete cds

GAATCTTGCTCTTCGAGTAACTTGAAGGATATGCAGCAGGAAACCGCCTCCCATGATGCTGAGAGAAGTCC
AACGTTGTCAATCGACATAAGTAGAGCGA

>trans_s_11588GU345781|Cucumis sativus nitrate reductase mRNA, complete cds

AAGGACAACAGAGTCTTGCCTTCCCATGTAGACGCTGAGCTGGCTAACGCCGAAGCATGGTGGTACAAGCCC
GAGTACATAATCAACGAGTTGAACATAAAC

>trans_s_11589NM_001187093|Oryza sativa Japonica Group Os04g0523650 (Os04g0523650)
mRNA, complete cds

CGGCGAGCTTTTCCGATGTCTTTTTAGGTATCTAGAGGACGGTGAGACGTCATCGGGAAATTTCTGTAAGTCC
GTGAGTGAGAGAAAAGACCCAGAGCTCG

>trans_s_11590NM_001057591|Oryza sativa Japonica Group Os03g0711400 (Os03g0711400)
mRNA, complete cds

AGCAGATGCGTCTGGTTTACTTTGTTCTCCACACAGAATCGATGATCAAATATGGGAATTATATCTTCTCCC
AATGACCTCACTTATCATTTTGAGTACA

>trans_s_11591DQ069360|Yucca schidigera ATP-depedent Clp protease proteolytic subunit (clpP)
gene, partial cds; chloroplast

TGGGATTAGCCGCTTCAATGGGATCTTTTATTCTAGTCGGAGAGAGGGCCGTTGGGTACTCGATGCCTTTATG
TTAGCTTTGCCAGCTTGCTGGTTCAACG

>trans_s_11592Novel Gene

CTTGGAATCCTATAATTCATCAATTAATCAACTAATGAAGCTCAGCATAATCAAAACGGGTATGTATCAGCTA
ATAGCTATATAATACCGTTGTCATACGC

>trans_s_11593XM_002328115|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA903), mRNA

AGAATGAGTAAAGACCATCAAACACAGGACAATCTTCACCAACGCCGGAACGCTTGAGCTGCCTCAGCTGATC
CTGCTGAGTCTCAGGCGTAATATTTCTCA

>trans_s_11594AC018632|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F3F24, Chromosome
V, complete sequence

AGAGAATCCCTGTCTTGTTCACATTTAAATAAATAAAGGAGGTAACCATATGTGTTTAATAGAACGGTAAA
GAAGAAAAAACAGAGTATAGTATATATC

>trans_s_11595AY587018|Triticum aestivum pore-forming toxin-like protein Hfr-2 mRNA, complete
cds

CAACAACCGTTTTTCAAGAGATTGTCAACAGATGGGAAGACGAATTGCCTTAATGCCGCGGTCGGAACGAT
AACGGAGACTGCACGTTTGGAACATTGTCT

>trans_s_11596CP000590|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 10, complete sequence

AATAGCCTCGCATCACGCCATGATGAACGTGCCAAATGCGCCGATAAATTCGCCTTGCTCCGACACCTACTTAT
TTTGGTACTCGCGTGGAAGCCGTACGC

>trans_s_11597AY056114|Arabidopsis thaliana At2g16590/F1P15.3 mRNA sequence

TCGGTAGTATGCACCTACAGTAGTCGTTAGGCTATCCTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAG
GTATGTTGAAGGTCGTTTCGAGCTTTTCCT

>trans_s_11598CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

ATCGCCAAGCGCCAGGGAGTTGGTCCGTGTTGGTCCAGGTTAGCCAGCGCTTTGGACTGCTCTCCTCCCGGTT
GTCCTTCCATATGGGTCGTTGTAGCGGAG

>trans_s_11599CP000588|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 8, complete sequence

GGCATGAGCGGCAACAATATAATTTGCGCTGAGTGTATCTGGAGACCCTCACATGGGTTGTTGTTGCGTTGAC
AGGCACATTGGGGCATCGGTGACTGTGAA

>trans_s_11600FJ708792|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

CCGCCGGAGATTGGGAATTGTTTCGATGTTGAAACGGCTTGAAGTGTATGATAACTTACTGTTTGGGAAGATTC
CCGCCGACGAGCCATCGTGCAGATATGGT

>trans_s_11601Novel Gene

CTCTAACGATATGACTTGCCATACTAGCTAATAAGTCGCTGAGAAGGGTTCTGACCCATCTTTGGATATGAATG
CATTTTCATTTAAAGTAGGGAGGGCTCTC

>trans_s_11602NM_001058463|Oryza sativa Japonica Group Os03g0852900 (Os03g0852900)
mRNA, complete cds

CTGCGCGTTCACCCAGATTCGTATACGATCACATTAAAGGCGTTGGAGTATGGAATTGTAATGCGTTGGTTGA
TGTTTGCAGTTGATAGCTGAGAGAAAATG

>trans_s_11603NM_001050884|Oryza sativa Japonica Group Os01g0765300 (Os01g0765300)
mRNA, complete cds

TATGGACAAGGCTTCTCTCATACTTCCATATTCACAGGACTCATGTTCTCTGCTCTCAATTCCTCCAGGTCCAC
CAGATAGCCTGATTGCCTTGTGGAGGA

>trans_s_11604NM_001161247|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing
protein (AT5G19090) mRNA, complete cds

AAGTATTTTCGAGAGCTTCGCCGTAAAGTAGCAGCGTCTACATTTCCAGAACTGTTACCTTCCCTAGCTCTGC
ATCTATGTCCGTAGTGAAAACCCCATCG

>trans_s_11605NR_022976|Arabidopsis thaliana (AT4G17098) otherRNA

TCCCAGACTTTAGAACTCCTACTAAAGTGCTTGAGACAGATTTGAGAATACCATTCCATCTGGGTCAGGTGGTA
AGCAGTTGAGTTTCTGAATCGGGACACT

>trans_s_11606HQ216092|Hyoscyamus turcomanicus isolate Tu180 NADH dehydrogenase subunit
5 (ndhF) gene, partial cds; plastid

TAGATTCACACGCAGACGTGTTTCGCGTGACGCTGCGGGCTCCCGCTGAATGTGACATTGGATCTATAATTTT
TTTTTAAGACTAGATCGCCGATCATAGA

>trans_s_11607XM_002308359|Populus trichocarpa AP2 domain-containing transcription factor
(RAV4), mRNA

GGTAGTTTTAGAATCACTTGAGGCTGCTTCACACAAGTAGAAAGCTATTGTGTCATTAGCTTTAAGTTGTTTTT
CCTTCACAAAGCGATTCCAACCACGCGT

>trans_s_11608NM_119463|Arabidopsis thaliana APM1 (AMINOPEPTIDASE M1); aminopeptidase (APM1) mRNA, complete cds

ACCCTCTTGCCCTGATTGCTGGCAAGCCATAGAAAGGGCAAATGCATCATCCAAAATACCAAATCTGTCCGTT
GTAGTCAAATGGTTTTTCTCTATTGCATT

>trans_s_11609Novel Gene

AATAGCAGGTATTTACGCAAAAATCCGAAATTTTCGATTTTCTCTTTTACCGGGGTTAATATATTACTATTAA
TCATATTAATTATTAATATCGGGCGCC

>trans_s_11610BT030368|Arabidopsis thaliana At5g65630 mRNA, complete cds

AGTGGGTTCCGAAACAAAGAAGCAACGGAAAGGGGAAGCCGGTGAAGAAGATGTGGACATTGGGGATGAG
GTGATACCAATGGGTGGTTTCCCTCCTGTTGA

>trans_s_11611Novel Gene

GATCATTTGCTTAAGACATTCATTCTGAGATCCGAAAGATCAAGCCTATCCAAGAACCTACTAAACCCCCACGT
AGCGGATTACTAGTAACTTAACTACTGT

>trans_s_11612Novel Gene

ATTCAAAGCTGGGGCAGATCTTCTTGACATCATTTTAAAGAAGGGGTCGGAACAATCCAGTGCTCATGTGGC
TTCTTACCCCCAAAAAATCACCCAGAA

>trans_s_11613Novel Gene

ACCTAACTCCCCTATCTTCGCCTATTTTTTGGTCTAGTCTCGATCCTTGTTTCATTGATTGATCTTCTAACTTTG
AACCACGAATCTACTGGTTGATCAC

>trans_s_11614NM_001058223|Oryza sativa Japonica Group Os03g0816000 (Os03g0816000)
mRNA, complete cds

AGCGATTTCTGAATTGGAGATAAAGTTAAGCTTTGAGATTTTACGTTTCTTCAGACCCTTTTTCCCCCCCACCTC
CAGCAACCTCATTATGTCCACAAAAC

>trans_s_11615NM_119156|Arabidopsis thaliana tRNA-splicing endonuclease positive effector-
related (AT4G30100) mRNA, complete cds

AGGTAATGGGTAATGCTAATGCTCTGATTCACTGATGATTGGGCTGCGTTGATCACTGATGCTAAGGCAAG
GAACTGTTGTGCAACGCGTTGCGTCTGGT

>trans_s_11616AY579881|Medicago truncatula AML1 mRNA, complete cds

ATAGGAATGATATAGCAGACAAGCGAATAAAGCTTGAACCTAGCCGTCCTGGAGGGGCACGTAGGAATTTAA
TGCAGCAATTAATGACCTCTAGTTCGTTTC

>trans_s_11617NM_001061721|Oryza sativa Japonica Group Os05g0319800 (Os05g0319800)
mRNA, partial cds

CCTAGCAAATGGCGGTGGAAGACCACCAGATTGGCAAGACTTTGTGGGGATCATTGCTTTACTTTTTATCAAC
TCTACCATAAGTTTTATTGAAGAGAACAA

>trans_s_11618NM_001188427|Oryza sativa Japonica Group Os08g0108500 (Os08g0108500)
mRNA, complete cds

AGCAGCCAATCGGCTGGAGGCAGACGATCAAGCAGGTCATCATCCGTGGATAGATTGGCGGCTCCTGTTTT
AACTGCGGAAGGATGGGACACCTAACCGCA

>trans_s_11619XM_002878972|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPDR4/PDR4, mRNA

AGAACAAAGGAAAAGATTAAACAATTGCTGTTGAACTGGTAGCAAACCCATCCATAGTGTTTCATGGATGAGCCT
ACATCAGGGCTGGATGCAATGTATTAGAT

>trans_s_11620AB058679|Pyrus communis Py-PIP1-1 mRNA for plasma membrane intrinsic protein
1-1, complete cds

AAATATGGTATTTCTCTGATGTATCGGCGTTTTCTCTCTCTCCGAGGTATGGAGATCTATGGGCGTTCTCTCTC
TGAGACCCAAGGGCTTCGCAGGGAGTA

>trans_s_11621DQ250020|Petunia integrifolia subsp. inflata non-S-locus F-box-like protein 2411
(FBP2411) mRNA, partial cds

TAACTAATAGGGCTCGAGGTAACCTGCAATGCTTGAGTCTGGTGGAATGCCCAAGAATCACAGACGAGGGTC
TGAAGCGCGTGCTTGAAAGCAATCCTAGGC

>trans_s_11622CP001330|Micromonas sp. RCC299 chromosome 11, complete sequence

GACTCACCGCCCCGAGCCTCTCCTGACAGTCGAGCCGCTTCGCTCGTCTTGACCCCTCCAACCCAAAGGTCCT
CAATGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATC

>trans_s_11623XM_002305619|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

CGATAGTTCTGATGAGCCGTCAATGGCGGTGCGAAACGCACGGACCTTCGAGGGAGTGCTATAAGCGAAATG
CGAGTCTTTTGAATCAAAGTCTGTTCTCTG

>trans_s_11624NM_001057550|Oryza sativa Japonica Group Os03g0703200 (Os03g0703200)
mRNA, complete cds

ATCCCTTTATGCAGAACTTGAGTGTTGCCTATCGTCTTCGAGAACTAAAGCCCGGAGAAGCTGTTCTAGATTGG
CCTACTCGAAGACTTTGTGTTAACCCGT

>trans_s_11625XM_002314173|Populus trichocarpa endoplasmic reticulum [ER]-type calcium
ATPase, mRNA

TGAGCAAGACATCTAAGACTGTGCCAGAAGATACAGATATACAGGGGAAAAAGTGTATGGTTTTTGCAGGGA
CAACAGTTGTGTTACCCTTTTGTAACATT

>trans_s_11626XM_002864800|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2746, mRNA

CTTATGATGAGTGACTCAACGAACGTACTATCTCCTGGAAGAACCATTAGTGAATCTGTGGTGGCAGATGCAC
TTTTAAGACGTATTCTGAACTGTGTGTTT

>trans_s_11627Novel Gene

CGTTACGTGGTAAAGATCATTAAAGATAATAATGGTATTTGCGTAAATGATTGGAGAAATCATCCATTGTCAGG
AAATAAAAAATTGGAAATGAATTAGAATTT

>trans_s_11628AY189073|Hedera helix 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

TGAAACGGAAGCGGGGCACTGCCCCTCTTTTGGACATTTCCGAATGAAGCCACCCGGCTAGGCCCCGCTTCT
GTAACAGTCCACCCCTCCCCAAAACAAAT

>trans_s_11629AY935269|Antirrhinum majus plena (PLE) gene, complete sequence

ACATCCAGCTGGTATAGAGGCCAATCTTTGTTACAGCAACAGATAGCAGGACTCTAACAGTATTCAATTTAG
CAACTGGAGAAAAAGTTTCCGAATACAGT

>trans_s_11630DQ915976|Acer rubrum cultivar North Wood chloroplast ribulose-1,5-bisphosphate
carboxylase/oxygenase activase large protein isoform mRNA, complete cds; nuclear gene for
chloroplast product

ACTCCCTGGACTGTACACACCTGAGGAGAACCCCCGAGTTCCAATCATCGTCACTGGTAACCTAAAGAGGTGA
GAGATGCGAGGAGAGTAGGCACTGCCAGG

>trans_s_11631Z97343|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 8

CGCACTTCACCAACCTCGAGATTTTTCTGTACAACAGATCCACCCCCAAGGATAAAGGCAAGCCCTTGGCCTGA
TAACTTCTGTCTAAGAAACCCCTCCACA

>trans_s_11632FJ790126|Gossypium hirsutum GID1-2 mRNA, complete cds

GTGAAACTCCTCTTCTCGAGCAGGCGACAATCGGGTTTTACTTCTTGCCAAACAATGAACATTTCTACTGTCT
AATGGAAGAGATAAACAACCTTGTAGTTG

>trans_s_11633AB331323|Elaeagnus formosana chloroplast rpl2, trnH, rpl22, rps3 genes, partial
and complete cds and complete sequence

AGCAATTATTATAATATTATGAAAAAAAAAAGTGAATAGTGAATATAGATACCTATCGTTCATTACTAAGAGGTA
AACCTTATGATAAAGAAGAGAAGAAAAA

>trans_s_11634XM_002873641|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

ACAGTGGCACTGACGCCTTCTCCAACCTTCTCATGTAAGTTATAATCCTTGGCATTCACTGGATACTTTTTTCT
GAAGGATTCTTGAAGAAATTAAGGCGG

>trans_s_11635AJ288896|Phaseolus vulgaris 2-Cys PRx gene for peroxiredoxin, exons 1-7

GCCTGCGTAGTAATATCCATATAGGCCACACCGACTACATCAAAAGCACCGAGATAATTCCTCAAGAACTCC
CACAGTACATTTTAATCCTTTCCTCCAAA

>trans_s_11636Novel Gene

TGCAATCGGTTCAATTTTCGAGTCTTAATACGTGCAACAAATTAATAGCTCGGTGTGGAAATGTGCGTGGTGGG
GAGGCACACTCGGATTCTATAGATCAAAA

>trans_s_11637AY607958|Lejeunea cladogyna isolate B104 photosystem II 32 kDa protein (psbA)
gene, complete cds; chloroplast

GTTATTCAGACGCAAATGCAAACGGGCTACTATACTCTAAGTAGTATACGCCATAAAGTGCAAACCGATAGCT
GCAGAAGTAGGGATAATATACAACCTCCCG

>trans_s_11638AB024638|Stereophyllum radiculosum chloroplast psaB gene for P700 chlorophyll a-
apoprotein A2, partial cds

TTATCGGCGAGGGAGAGCGCCCAGGCTTCCGTTGGTCCAGCTCCCAACGGGGTCATAACGATTATGCCCCGAA
ATGAGAAGCAAAAATATTCTGATAAAGACG

>trans_s_11639GU257993|Ranunculus sceleratus tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and
maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

TCTAGAGCCGATCAAAACAGAAAATATTTACCAAAGAAACAGAGAAATCCCTATTCAGAATCACCTGACTTCA
AAGAACCAGCCTTCTGGGTCTACAACACA

>trans_s_11640Novel Gene

TGATGGCTGTGTTGACGTTGAAGAGGATGAACTCCGATGCCGTCTTTGCTGCTCCATTGTTGCTGTGCACGGA
AAAAAAGCGAAAGGCCCTACTGCTGGT

>trans_s_11641AY506498|Triticum aestivum root peroxidase (pra4) mRNA, complete cds

CGCCGCAACTACTACAGCTCCTTCTCCAAGCTCTCTATTTCTCAGACCCATCCGTCTTCTCTAGACAACTGTCA
GCTGCCATGGTCATGGATGGTTCAAC

>trans_s_11642XM_002884717|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PIP5K9, mRNA

GAATTTGAGGGAGATGTTTAAGATTGATGCTGCTGACTACATGATGTCCATTTGTGGAAATGATGCTCTTAGA
GAGCTATCTTCACCTGGGAAGAGTGGTA

>trans_s_11643Novel Gene

GCCGCCAAGGAATCCAATAATGGGAAGAGGTACGAGGAAGGAATAATGTTGTCGTCGTCGTCGTCGTCGGC
GGCGGCGGCATTAAATGGCTACCCCGCATA

>trans_s_11644FJ754266|Dictyochloropsis reticulata strain AB06.006A3 microsatellite LPh6
sequence

AGGTGGTGGGCGCTTTGGAGATAGAGATCGGTTTGATAGCAGCAGCAGGGACAACAAATATGGAAGTCGTG
ATCGCTATACCGACAGTGAACGCGGTGGCA

>trans_s_11645AB183715|Leymus chinensis LcBADH1 mRNA for betaine aldehyde dehydrogenase,
partial cds

AGGGACAGTCGGGGGCATTCTGAACATGATGAAGGAGAGGGGAGCCAAGCAGCTCAAACGTCGAGACCCCC
ACGAAGAGCGGGATTGGCAGTTCAGGTGTG

>trans_s_11646GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

AGAGGGAACACACAGAAGGCGGGAGAGAATCATAACTTCAAGCAAGCTGGAGATAGATACCGATCATGGGC
ACCAGACAGACAAGAACGATTCGTGAGGCG

>trans_s_11647NM_001054002|Oryza sativa Japonica Group Os02g0622300 (Os02g0622300)
mRNA, complete cds

CTGAACGCCTCTAAGTCAAGAGACTTTCTCTCACTGACATTAATAATTGACATTAAGAGAGTCCCTCGGAGAGG
AAGGTCTGCCAGGATCGCAGGAATCAGT

>trans_s_11648AY865171|Lactuca sativa chloroplast inversion region

ATTTGGGGGGTCCGGACATGGTTAAACGTTTGAAGTCCAGACGTAGCATGGTACTCTTTCTACTCTTGGCCG
TACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCT

>trans_s_11649EU583457|Betula pendula histidine kinase 3 (HK3) mRNA, partial cds

GGGATCGACTGCTTGTCAATTCATGACATCTCCACCTGACCTTATTAACCTCATGGTATCCGTGGAAGATACAG
GTGTCGGTATTCTCTCTCTAAACCG

>trans_s_11650NM_001063720|Oryza sativa Japonica Group Os06g0223800 (Os06g0223800)
mRNA, complete cds

TTTCGCTAGCTGGGTCAAATTCGAGAGCTAGAAAAGGTGCTCCTGGGCGATCAGGAATTGGTTTTAATAAA
TCAACAAGAGCTGGAATTGCTTTCCGAG

>trans_s_11651U25275|Mesembryanthemum crystallinum TATA-binding protein mRNA, complete
cds

CGAGGGACGGAGGGAAGACTCCTTAGGAGAAAAGCTGAGACTGAGAGGGTGAGGTCAGCAACGAAAAGAA
AGACAATGAAGCTTTCATCTCATCCCGAGGG

>trans_s_11652Novel Gene

ACCGTTATCCCCATGACTCGTTCGCTCGGCCGGTCACTTGGCTCGAGTTCATCAATGAAATGGTCGCATCCC
TCCGGAGTCTACGAGTCTACCTTGAC

>trans_s_11653GU190210|Lithospermum multiflorum voucher H.D. Hammond 11441 (NY) internal
transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal
transcribed spacer 2, partial sequence

AGAGAAAACAAAATGTTGGCTGTTGGTAGTCCTTTTACCAGTGTCGTACGAGCTCTAGTTGTAATGCTTTGCT
CAGAGAACTTCAGCAGGCGCAAGACAG

>trans_s_11654NM_001062826|Oryza sativa Japonica Group Os05g0557700 (Os05g0557700)
mRNA, partial cds

GGATTGTTGGTGGAGGAAACAATGAGTGCATACGAACTGGTTGAGCACCCAGATTATTCCTTCTCTCTTGGAG
ATATTGTGAAATCCAACAACCGTCATAA

>trans_s_11655DQ008632|Chimonanthus praecox 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAGATAGCTGTGTTATCGTCAAAGTCTAAGTTTTGAAAAAAAAATATCTCAGCATATTTACTCCCGCCGTTTACC
CGCGCTTGGTTGAATTTCTTCACTTT

>trans_s_11656NM_001064172|Oryza sativa Japonica Group Os06g0475800 (Os06g0475800)
mRNA, complete cds

AGGACTTATGATGATGGCGCTGGAGATGTGGATCGTGACTTCGACGCTCTTCAATTGGAAGTCAATCAGGATG
ATAATAAAGCTATTTTGGTCACCTGAA

>trans_s_11657NM_180259|Arabidopsis thaliana methyltransferase (AT3G15530) mRNA, complete
cds

CGTTCCGGAATACGTGCGGAGGTTGCAAGAATTGAAGATGGAAGACATTAGAGTGTCGGAGGGTGTAACAG
CCTTCATGGTCAGCAGCCACATCGTTTCCT

>trans_s_11658CT028245|Poplar cDNA sequences

AGTTCATTGGTTTTCAATCTTGAAGTCTTTGATGGTGATAACATTTCTAGCCGGTATTGTTCTTGTAATTTTCTGT
CTTCAGTGTTCTGAGAGCGAGCACA

>trans_s_11659GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

CGGGGTAAATAGCATCTCGTATGAATGTGAGGCCAAGCATCTAAGAAAGACCCAACGATGTTTATGGCCAAC
ATGTATGTTGTTAATTATATTTGTAAGGG

>trans_s_11660D26106|Cucumis sativus mRNA for ferrochelatase

ATGGACGCCGCCTCTTCTCTCTCGCCCTCTCCAATATCAAGCTTCACGGTTCACCAATACCCTCAATTCGGAT
AAAAGAATTTTCATCGGGAAAGATTTT

>trans_s_11661NM_001062030|Oryza sativa Japonica Group Os05g0402800 (Os05g0402800)
mRNA, partial cds

GAAACCATCCAGGAGAGGCTCACTGATGTACCTTCATTTTATGTTGAGACTTATAAGAAATATACACGACAAG
GTTCCCGTGTCCTTGCTCTTGCTTACAA

>trans_s_11662Novel Gene

AGAAAGCTCACACTACCATGTAGTTAGGTAGGGACAATCAATCCGTAGTGACGGGAATCTAGGAATGAATGG
GGATCCCTATCAATATCAATATCAAAATG

>trans_s_11663AJ697696|Nicotiana benthamiana mRNA for ALY protein (ALY617 allele)

CGGAGCTTCTTCTGGACCAGGCCCTTCTCGCCGCTTTCGCAATCGTGGTCTTAATAGAGCAACGCCTTATTCTA
CTTCGTTCCGCGGTCTCTGCGCTTTTG

>trans_s_11664XM_002311548|Populus trichocarpa nucleobase ascorbate transporter, mRNA

TCTGTGGCGTAATGTTGCAAGGTTCTGAGTCCACTTTCAGCCGTCCCTTTGGTTTCTCTAGTTGGCTTTGGGCT
TTTTGAGGGTTTGGGGGGATCGCTAA

>trans_s_11665AF017157|Cucumis sativus 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACAAGACAAGAGTTTCGCCTTTATGTTCTCGACTCAGCACAGCAGTTGTCATACCGCAAAGTGAGCGTATTTAA
GTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCG

>trans_s_11666Novel Gene

TCCAAGAAGGTTGACAACCTCAACAAGCGATTCTCCTTTCCTCATCCATCAACTCCGAGAAATCTAACGCGGA
TGGTACTGCGGGACACCGAGAGAATAG

>trans_s_11667NM_128106|Arabidopsis thaliana EBF1 (EIN3-BINDING F BOX PROTEIN 1); protein
binding / ubiquitin-protein ligase (EBF1) mRNA, complete cds

GAAGCACAATTAACAAGTCATTACAAATTTCTCCTGCAATGGAGTGACAGACATGGGCCTTGAATCTGTTGG
AAAGGGTAGTCCAAATTTAAATGCCCT

>trans_s_11668Novel Gene

TCGAACTGTCCAAGGCGGTTCTATCCCTCCCGTTGAGATTACTACTAATGAAATTGCCGTGGCTATTGATTCTG
AGATGTTCTTTCTCCATATGCTTAATT

>trans_s_11669NM_001048386|Oryza sativa Japonica Group Os01g0117400 (Os01g0117400)
mRNA, complete cds

AGGTCCTTAATCCTCTTTTCCCTTGGAACGTGTCCATTACAGGTGTGTTACCCCTGTTCCACCTCTTTTTGGGG
GCCCCTTTTTTAACTTGGTGACACC

>trans_s_11670NM_179531|Arabidopsis thaliana agenet domain-containing protein / bromo-
adjacent homology (BAH) domain-containing protein (AT1G68580) mRNA, complete cds

GATTTTCTTTTCTTTTGTCTTCAAGATCTCAGTATTGAATGCATAGATGGCTTGGCGACTGTTCTCAGTCCCCA
TCATTTTCAAATATTATTCTGGTG

>trans_s_11671Novel Gene

TGTTGAAAAAATAAAGGAAGATGCCGAGGTAAACCAAGCAATCACCATCGAAAGTAAGAAGACACCAACCT
CAAACCATTTCCAATCATTCCATTATC

>trans_s_11672CP000596|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 16, complete sequence

CCCATAAATAAACTTCTCCATTTCTTCGCAAATTCTCGTCGACCACTTCTGTTACAAGGAAGATGATGAGTG
CTATTCTTCTACGGAGATCTTCTGAGG

>trans_s_11673Novel Gene

CTGGCGGCGTGCGCGCGATGTGACGCACGCCTGGTAGACTCGCGATTCCATAATCACTTAAATTTGCCGAGGA
TCCCGGGACTAGTGATGGGGATAGATCA

>trans_s_11674CP001329|Micromonas sp. RCC299 chromosome 9, complete sequence

GAACTTTCATAAGCATCGGTATGAGTAGTCCGGTATGCATCACAAACGTGGCTGCAACAATTGGGTGTGCGTG
CTCACGCGGGTGGTCGATGTGATCGTGT

>trans_s_11675tpg|BK001477.1||TPA_exp: Lycopersicon esculentum alpha-dioxygenase 3 mRNA,
complete cds

AAAGAGCGTTACCCGGACTTTGACGATGAGCAGCTCTATAGGCATGCCAGATTGGTGACTTCGGCTGTAATTG
CTAAAATCCACACCATTGATTGGACTGT

>trans_s_11676NM_001160815|Arabidopsis thaliana TMT2 (TONOPLAST MONOSACCHARIDE
TRANSPORTER2); carbohydrate transmembrane transporter/ nucleoside transmembrane
transporter/ su> (TMT2) mRNA, complete cds

ATCTGCTGGACCAATTATGAATTCCTCAAGGGAGGTCTCACCCCCAACTCCAAGACCCTCAACAAGTAAAGCC
AACTCCCCAGATACATCCTCTCTGCCTC

>trans_s_11677NM_001068690|Oryza sativa Japonica Group Os08g0500300 (Os08g0500300)
mRNA, complete cds

CCAAGATGTTTCTACCACTCAAAGTATCTCTACTGAAGTCCTTCAAATTGATGGATAAAGAGTTGAAACTGCAT
CCCAAATTGATTGTTTTTGCAGTGGA

>trans_s_11678Novel Gene

ATAAAAATAGCCTAATTATACTCTAACCTAGTATTAATAGCCTAGTATAAGAGGATAGCTCTGCACTGATCTAT
ACTATAGATTGCAGATAGTCCTCAAGC

>trans_s_11679FJ669714|Trigonostema hypoleucum 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTTTATATAAGCCCCTCTGGTGCTATAGAGTTCCCGAGCGTGGCTACTGTTACTTTGCGGGCTTGAGAATTTC
CCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCC

>trans_s_11680Novel Gene

TCAAAGAGCCAATTTTGGAGAGATTCTTCATCGATCTAGTGGCCGGCGAATCACTGATCACCTCTATCTAGTAA
TAACTTGGTCCGTCGGCGGGTTGTTTC

>trans_s_11681XM_002872755|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

GAGTCTCTTGCAAATGTTACGGAGGTTTCATGAGGGGTTGGATTCTGTGCACATGGTGATGGAAGAGATTCTT
TTGGAATCTTCTCTGTGAACGGGGTGGT

>trans_s_11682XM_002886589|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATTPS10, mRNA

CCAGTGATGAGATTATACGGAAGCAACAGATGGCTCGTGCATAGAACAGAAAGAAAGTGCTTTAGTCTGG
CATCATCAAGATGCTGATTCTGACTTCGC

>trans_s_11683AL161576|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 72

GAGGACACGGGACGTCTACACAACCATTATATAGGTATATCAGGCTTTGTGACCTGGTACTTTTGGTTTTCTG
ATTCTTATCACCCAGTATGGTATTCTT

>trans_s_11684XM_002314779|Populus trichocarpa white-brown-complex ABC transporter family, mRNA

TTCCCTCTCTTCTACAGAAGATATCTCAGTGAGCTGAAGTTCAGCAGCAAGTGTGCTGTCTCTCGCACAGTTA
GCTGTGAGAAAAATAGGTCCTCCTGTC

>trans_s_11685GU188475|Fragaria vesca blue light photoreceptor (CRY2) gene, complete cds

GCAGCAGCAAAAACATGTGCTACTAATTCTTCTAATGACCAGAAGGTACCAACAATCCATAATTCAAAGGTTA
GTAATAATCCATTGAGTAGGAAACGGTC

>trans_s_11686NM_117407|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein / extensin family protein (AT4G13340) mRNA, complete cds

CGAGTTCCCGAATATTTCCGGCAAGTCAAACCGGAATCTATTGTGGTTGATGAAAATGGCGTCCAAATCCTTG
TCAAAAAGCTCCTTAGGAACCGTCCCTT

>trans_s_11687NM_125748|Arabidopsis thaliana ATPF3; metal ion binding / transition metal ion binding (ATFP3) mRNA, complete cds

AGAGGCAGATCTGAAAGCGTCTCAAGTTTCAGTGACGGGCGTTTTTCGACCCACCAAAGCTTGTGGATTATGTG
TACAAAAGAACTGGAAAACACGCCACAG

>trans_s_11688Novel Gene

AGCAGCTTCTTTAGCTACGACTCTTCTCCTACCGCCGGACCAACTGGCACAGTTAGCATCTTCTCTACTTGG
GCAGCAAAGGCAGCCGGCTTATATAC

>trans_s_11689EF192430|Ipomoea batatas glycine and proline-rich protein mRNA, complete cds

TAGAAGCTGATAAACCATGGGGGGTGGAAAAGATAAACATGATGAATCTGACAAAGGTTTATTCTCCCATCT
GGCTCATGGTGTGCTCATGGAGCTGGAT

>trans_s_11690EF585723|Sonneratia apetala isolate Sonn4_4 23kDa polypeptide of the oxygen evolving complex of photosystem II gene, partial cds

TTCACCCTCCTCCTGGGGGGTGGGACAGGTATTAACCATCTTTCGGTTCTTGTGTAATCTACCTGTTTTTCTGG
CTTTTCTTTGTGGTTTTCACATGGG

>trans_s_11691NM_116593|Arabidopsis thaliana ATGSL05 (GLUCAN SYNTHASE-LIKE 5); 1,3-beta-glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATGSL05) mRNA, complete cds

TCAAACCTTGCTGAACTATTGAACAAACCTAAGAAAGACACCAACCAAGTTGTGAACACTCTACAGGCCCTTTAT
GAAATTGCCACTCGAGACTTCTTCAGA

>trans_s_11692NM_118064|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein (AT4G19440) mRNA, complete cds

TAAGATTCTATTGCAAGAAAGGAGAATTGGATAACGCAGGCAGGGTTTTGGAGCAAATGCTGGGAAGGGGT
CATAACCCAAACGATGCGACCATCACATGG

>trans_s_11693DQ280492|Malus x domestica cytosolic NADP-malic enzyme mRNA, complete cds

CAGAAGATCCAGACACATAACATTGTTTGACCGCAGTCATGAATTCATCCATAAGTTCAGCATATTCCTGCCCA
GTAGCCCTCTTCTGCCTGAGCCCAATG

>trans_s_11694XM_001690920|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GAAGCCTAATATTGCAATTCTCTGATCCAATGCAATGGGGCATGCACCAAACCTCCCAGGGTGACCTGGGCTGC
CCCAGCGGTCGCGGGTAAAATACTCAA

>trans_s_11695Novel Gene

CCTGAGTGTTACAAGTTGTACTACGTCTCGAGAGTTCGGATTTTAAAGGCGAGTACTTTAAGACAGGAGCTGC
GGAAGAAGCAACCATTGAAAACCGGGTC

>trans_s_11696Novel Gene

AAAGGACTCTGTTTTACCAATGAATATCACATTTATTCTGGGCATTTCTGCTCCATTTTATTGATTGCTTGCTAT
GGGGTTAATTCATGAAGTCCTAGTT

>trans_s_11697DQ973812|Glycine max PHD1 mRNA, complete cds

GAGCACATTAAGCAGTACAAATGTCCTTCTTGACGCAACAAGAGAATCCGACCCTGATGCGGTTTACATAGAG
CAAGTGTTGTTTACTAGTAACAATTT

>trans_s_11698XM_002503662|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7 Ca2+:Cation antiporter
family (MICPUN_60300) mRNA, complete cds

CGGGGGCCCAGAAGGCTAAAAGGTGGGGGAGAAGCAAGCCGAACCTCTGATCGACCCCTGGAAACATCACA
AATGAGATGCGTCAGAGACTCGGTGAGACC

>trans_s_11699FJ791046|Helianthus annuus retrotransposon HA2 delta-12 oleate desaturase
(FAD2-1) gene, complete cds

TTCTGTCGCCGAGTCCCCACAACAACAACTTTGTCTTTCAATTTAGCATTAAAGGGCAGAATCAGCCGAGAGTTG
GGAATCAAGAATACGTGGGTTAGCTGG

>trans_s_11700DQ160087|Taraxacum officinale TO68-13 (To68-13) mRNA, partial cds

AAAGCAATTGCAGATAAAATCTCTAATTGGGACAATGTTGTCTTGGCTTATGAGCCAGTATGGGCTATTGGAA
CAGGGAAACAACGCCAAATCATCACTTA

>trans_s_11701Novel Gene

TGTCTTCTTCTTCTCCCCCTCCTCCTCTGCCTGCAGTTTAAATGGAAGCTTCTTGGTACAAGGAGTTTTGTCCCCCT
TTTTGCTGCTTTGGATATATAACCT

>trans_s_11702Novel Gene

TAACGCCGGTACGGGTACACTTCTAGTCCAGAACACCTGGGCGGTGCGACCTGAGGACGCTTCGATTCTCGA
TCAAGATTCTTTACGAGGCTCCTGGAG

>trans_s_11703XM_001697860|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CCCTGTTAAATCAGATGCTGCTCTACACAGTCAAAACGTTCCAGACCTATGAGGAAGAGCGAGATGCCAGCT
GTATCCGGGTCTTTTGAAATTCCTGGTT

>trans_s_11704NM_001072062|Oryza sativa Japonica Group Os11g0104900 (Os11g0104900)
mRNA, partial cds

GAGTACTCGTAAAGTTTCCACTAAAGGCAGAGTTCTGCAGGACGATCTTTCAAGAAGTTCAATCAACTCATGT
GGCAGATCTGCTGTCATAAAAGCCTTA

>trans_s_11705NM_126395|Arabidopsis thaliana nodulin-related (AT2G03440) mRNA, complete
cds

CGACTCTGTTGACAAGGGCAAAGTCGCCGGTGCCACTGCCGACCTTCTCGGAGCTGCTTCCGATTATGGAAAA
TTGGATCAAACCAAAGGTTTTGGGCGTG

>trans_s_11706AF142731|Wisteria frutescens maturase-like protein (matK) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

ATATGTATACATAGGTAAAGCCGTGTGCAATGAAAAATGCAAGCACGGTTTGGGGAGGGATTTTTTTTACTTA
TTTTTTTAAGTATTCTGGTGTCTAGG

>trans_s_11707NM_180361|Arabidopsis thaliana CP29; RNA binding / poly(U) binding (CP29)
mRNA, complete cds

CGGGGTGTCGCCGTCTCATCCGATTACGACCAGGAAGAAGACACTCTTGAGGCCGATGGAGACGACTCCGGC
TACGCTCCTGACCTCACCAGTGGATGTAA

>trans_s_11708NM_179820|Arabidopsis thaliana BTB/POZ domain-containing protein (AT2G30600)
mRNA, complete cds

CTCGTGCGATTTCCATTACTCCCATATGACTTGTTGAAGAAGTTGCAGAACAGTAGCATTAGCAGGAAGATTC
GTACCTTTAAGACGAAACGTCTTTTTTT

>trans_s_11709EF194054|Populus tremula x Populus tremuloides xyloglucan
endotransglycosylase/hydrolase precursor XTH-14 mRNA, complete cds

AAACAATGGCTCTAGCATCTGTGTCCTTCCTGGACCCTAGCCCAAATCCATAAAATAGGGGACGAAACTAATA
CGCAACTTGTTCTTCGGGAGAAAACAAA

>trans_s_11710EF487231|Saruma henryi voucher SPL_S50 28S ribosomal RNA gene, partial
sequence

GCGGACTCCTCCGTTTGCCAAAAGTTTGAGAATAGGTTGAGATCGTTTCGGCCCCAAGACCTCTAATCATTCGC
TTTACCGGATAAACTGCGTGGCGGGG

>trans_s_11711XM_002886950|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutamate decarboxylase 2, mRNA

TATTCATGTTGATGCTGCGAGTGAGGGTTTATTGCTCCATTCATTTACCCTGAGCTAGAATGGGACTTTAGGT
TGCCACTTGCGGGAGACGCGCCGTGTT

>trans_s_11712Novel Gene

AGAAGCCAACGATGAAGCCGAAAGACTTCTCAACCAATCAATGCCAACAGAAAAGGTTTAGACAAGCGTGTT
CTCGTGTTCATCCAGGTAAGTGTAG

>trans_s_11713EU526569|Coffea canephora microsatellite CaM21 sequence

AGAACAGTTTCAAAGGGAATTGATTCTCAGTGGAATGAGAGACTGAAAGCGAGACAGAAGGCATCGGGGC
GGGGGCCCCCTTGAGCTGAGTCAGAATAC

>trans_s_11714XM_002865037|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin-NADP+ reductase,
mRNA

ACTCCCAAAGCTCCTCAGCATACTCAGCCATTCTAGTTTGAATGTACATCTTCTCACCTTCTCGTTCGTTTGCTC
TCTACTAACCCAATCGGTAGGAGCG

>trans_s_11715Novel Gene

CCTGCATTTCTAACCTGTTATATAAACAACCTTCGATTTAGTCTCTATAATCATTGATGAGATCTTTTTACTGCTA
AAATGCTAGCTTCTTCCTTCATCCT

>trans_s_11716Novel Gene

ACCATTCGCGAGATTAGAGATACGAAAACCGTCAGCGCACGTCGGAACGCCCGTTCGTTCAAATCCAAGTTTG
TCGAGCGAACGTCAACTTCGTCCTAGGT

>trans_s_11717Novel Gene

ATACCCTATCCGAGACGTTGCCTTCATTCTCATCACCCGTAGTTTTCTCCGTCCCCTACCACTAGTACCAACAG
TTTCTTTGTCATCAAACCTCTCAACT

>trans_s_11718FJ169535|Linum maritimum internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

CTGCGCATGCAGCCATTTTATAACGGAGAGTCGCAGCTTGGTCGTCTATCCTCGCATCGATGAAGAAGCATC
CGAAATGCGATACTTGACACGATTGCA

>trans_s_11719XM_002869535|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tryptophan synthase beta-subunit
(TSB2), mRNA

AGTGCAGGTTTGGATTACCCTGGGGTTGGACCAGAGCATAGTTATTTGAAAGATCTAGGCCGTGCTGAGTACC
ACAGTGTAAGTATGATGAAGCACTTGA

>trans_s_11720DQ108486|Corchorus olitorius SSR marker J-83-M13F genomic sequence

TTTATAAGTAGTAAGTTTACGTCTTTACTACCCAATATTAGTAGTGCAGGAGTAGGAGGCGTCGAGCTATTTTC
CGCAGGACCTCCCCTACAGTATCGTCA

>trans_s_11721AF196288|Medicago sativa subsp. x varia Ser/Thr specific protein phosphatase 2A B
regulatory subunit alpha isoform mRNA, complete cds

AAGAGAAGATTAATAAAATAAAGTGGTGTGTATCTCCGAATGGATCTCGCTTCATCCTTTCAACAAACGACAA
GACTATTAAATTATGGAAGGTCAAGGAG

>trans_s_11722CP000585|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 5, complete sequence

AGAGTGGTTATTGTCATCTCGATGATATTCACTGCCGAACATTTTTCATCCAACCCCTGAAAACAAGACCAAAT
GGTTTCAGAAGCTCTTCAAAAGGGGGT

>trans_s_11723Novel Gene

AGTGGATTTTGAGCTGGACGAATTGAACTTTGTTAATCGAGTATAGCATTGCGAAAACTAACTCTGTTAGA
CTGGAAGGATTGTAATACCCGAACCACT

>trans_s_11724XM_003056103|Micromonas pusilla CCMP1545 cell division cycle protein 48
(CDC48), mRNA

AATGAATGTCAAGCAAACCTTTATTAGCGTCAAGGGCCCAGAGTTGCTCACGATGTGGTTTGGAGAGAGTGAG
GCCTCTGGAGTGTCTTGTCTCACATGCCG

>trans_s_11725NM_001068673|Oryza sativa Japonica Group Os08g0496900 (Os08g0496900)
mRNA, complete cds

GAAACAGCCCGGATCACCTTGAAGTGATGAACATGCACTGGGCTCTGAGTAGATATAATTTCTGCTTAATTTG
ATGGACAATGGCCGGTAGAAAACCATGT

>trans_s_11726XM_002300322|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS53),
mRNA

AAACTTTAGATTACTACTTAGCAATCTTCGAGTCCATTGATGTCACTCTACCAAGGAACAGCAAGAAGCGCAG
ACCGTGGTCAACCCCCCACCAAAAAA

>trans_s_11727CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

CCCGAGTCCGAGGCGGACCGAGGGAGGCTGGGGCAAGCCTGGTTCTGACTGGGTCTAAGTATAATATTGAAC
CTGGTTTTTGGGCCATTTTGAGTTGAGGT

>trans_s_11728NM_001067440|Oryza sativa Japonica Group Os08g0127700 (Os08g0127700)
mRNA, complete cds

GAAGGTACATCATGATGATCCCATGAAGGATTTTCTCAACTAATCTAGCAAGATCGATGTATTGTAATATATGT
TTTTATTTTAACAAGAAACAACAACAC

>trans_s_11729XM_002864766|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AHA11-ATPASE 11, mRNA

AATTGGTTGGGGTTGGGCTGGTGTAATTTGGCTTTATAACATCATCTTTTATATTCCTCTTGATCCCATAAAGTT
TGCTATTCGATATGCATTGAGTGGGA

>trans_s_11730XM_002884900|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydroxyproline-rich glycoprotein
family protein, mRNA

CCTCTAACGATCTGACGGCGGTAGTGGGTAGCTCTGGGACGGTGGACGGAGCCGGCGAGACGAGGTGGTTT
GGTGGATTTGAGGCCGGAGAATGTGGGAAT

>trans_s_11731NM_001061336|Oryza sativa Japonica Group Os05g0178900 (Os05g0178900)
mRNA, complete cds

CAAGTTGATCACGTGGAGCCATGGATGACTGGTAACTGCCGTGGCCCTTCAACAGCATTCTGCCTTCTGTACA
AGTTTTTCACCATGAAGCTGACTGTAA

>trans_s_11732Novel Gene

TTCAGATGTCGGCGGGGAAACAAGTGAGACAGTCAACTCTCTGTCAACTCCGAAGAATAAGTTGGAATTGAA
AATGTCGAAAGGAGCCATGTCAGACTTCT

>trans_s_11733X73961|C.sativus mRNA for heat shock protein 70 (hsp70)

GTGGCGCAAGTTGAGACCTCAAACCAGATAGCGGACTCACATCCAATAGCACAAATGTCACTAACGTCTCCAGC
CAAAACACCAGCCTGAACAGCAGCACCT

>trans_s_11734NM_124156|Arabidopsis thaliana FRA1 (FRAGILE FIBER 1); microtubule motor
(FRA1) mRNA, complete cds

ATTTGCGGAGCGCAACTGGTTCCAACGTCCGCGGTTTGTGAAGGCACGTTCTCGTTCCTCTGCCTCTGAAAGTT
GTGAAGCCATTGCCACAAGGAATTTG

>trans_s_11735AY104704|Zea mays PCO133361 mRNA sequence

CGAATCAACTTATTGGTCTTATAACGCGCTCTGACGCAAGAGGCAGCGTTGGGAGCTCACGCCCCGCCGCGG
GTCTCTTTAACAAGAAAACGGCGGATAAG

>trans_s_11736NM_106047|Arabidopsis thaliana zinc finger (B-box type) family protein
(AT1G73870) mRNA, complete cds

CCGATGATGCTTTTTTGTGCAAGCTTGTGATGCTTCAGTTCACTCCGCCAACTCCTTGGCTCGTAGACATGAG
CGAGTTCGTCTCCAAACTGCCTCGTTC

>trans_s_11737Novel Gene

CCCTTACTCTAAGTTCTTCATGAAAAATTCTAACTCATTAGAGATATATGCACAAGTTGAAGTTCCTTTATCTAG
AGAAAAATTGTTCTCATTGTTAGTCAT

>trans_s_11738GQ998867|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C 5S ribosomal RNA (rrn5) gene, complete sequence; chloroplast

GTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACTGTAGGGGAGGTCCTGCGGACCAATAGCTCGACGCCACCTACCC
TTGACAACTGCAGACCCGTGACAGAGCC

>trans_s_11739AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

AAAAATGCTTAAATGGAGTTCTCTGGAGAATGAACTCCGAGAAGGTAGAGTAGAAATTAGTATGATAAAAT
ATGATAAAGTGGTCAAATGAGGTGCGCG

>trans_s_11740DQ455542|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BT44M13_494 sequence

GGAGGCAATCATGGCACTGAGGTTACAAACCTTGGCCTCAAGGCTGTTGCCCATGGATGTCCTGCCCTTAAAG
CTATTTCTTTGTGGAATCTGTCTTCAAT

>trans_s_11741NM_121687|Arabidopsis thaliana ATP binding / protein kinase (AT5G16810) mRNA,
complete cds

CTTGCATCACACCCAAGAACTCCGCACTGAAGAACTGTTTCTCAATCCCCGCCTTCTTCCCACTCTGATGATTGC
CTCCGACATGTGTTTAGGTGCCTCG

>trans_s_11742EF501825|Populus tremula x Populus alba secondary wall-associated
glycosyltransferase family 43B (GT43B) mRNA, complete cds

TCATGTGTACCTTGTTTCACCATTTAAAAGGTGTTCTTCAAGAGGGTCTTGCCCACTCACACTCTTCCCAAAGAA
CCCAACATATATGATCAGCAAACCAG

>trans_s_11743XM_002881421|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-glucosyl transferase 72C1
(UGT72C1), mRNA

TGTCTAGCCACTCCATGCATTCTTGTTTCGTCAATGGCGGCTTTGTTCCCTCTTCTTGCTTTGTCTTTGTGTCTTT
GTTGCATAGTGAAACTGGCCCAATA

>trans_s_11744EF053057|Thellungiella halophila Na⁺/Pi transporter mRNA, complete cds

AAAGTTTCAGTTGGGCTATACTTGGTTGGAACAGTGGTTTGAATCTTCTCAACTGGTGAGAAAATATTGG
ACTAACCTTCTAGATGAATCTAAAGTTT

>trans_s_11745FJ614806|Zea mays cultivar B73 p cluster, complete sequence

AGACCGGTAGACTCGAACCGACTGTCTTTGTGGCTTGGTTGGCTTCATGGATTAACCCAAATCCTAGAGGTCA
CGGGTTCAGCTCTAAGTTTGTTTAAACA

>trans_s_11746FN811153|Camelina sativa partial tub6 gene for beta-tubulin, exons 1-3, isolate
CsTUB6

TTGAACCTCTCCTCGCAAATTCTTTCCGCCTGTCCTTCGTAGCTTTATTCTGCTTCGCACCTTTCAGTCGCTTCT
CTCATTCTTCGATCATTCTTTGATC

>trans_s_11747XM_003078499|Ostreococcus tauri DHHC-type Zn-finger proteins (ISS)
(Ot04g00290) mRNA, complete cds

TCACCATCAACGATTACATACATACTCAGAGGCATCACCCCCTCCAGCCTTCGACATGGGGATTAGCCGACACCC
TATTCAGTTGGAACGAACAACTACCTT

>trans_s_11748EF469936|Helianthus annuus RFLP probe ZVG77 mRNA sequence

TCAGTAGCAGCACAATCGGGGCTTGCTCATAAGCTGCTCCATCATACCTTTCTAATGCATTTTCACCAGCAAGT
TCGACCTTTGCATCTCTTGTTGGCCATT

>trans_s_11749NM_117747|Arabidopsis thaliana binding (AT4G16490) mRNA, complete cds

TGCGCTTGTAGAAGCAATTGAAGATGGGTGCGTGAAAGGGAAAGAATTTGCGGTGTTGACACTCTTGCAACT
GTGTGTTGAGAGTGTGAGAAATCGAGGGT

>trans_s_11750Novel Gene

AATACGAATTGGGGCTTTAAGGGGTGCTCCCGTCGACTTACTGCAGAAAACATCGGAATCGAACTCTGCGCAT
AAGCGACACCCATTAAATAAATGACTAT

>trans_s_11751NM_106496|Arabidopsis thaliana CYP708A3; electron carrier/ heme binding / iron
ion binding / monooxygenase/ oxygen binding (CYP708A3) mRNA, complete cds

TCATAGAAAAGAGTTCTCTCAACGCCAACAATCCTAACTCATCAGATTACACGCCAAGTGACAAGAAAAATTC
TGCGTATAAACACCTCCACTCTGTCCG

>trans_s_11752NM_001058131|Oryza sativa Japonica Group Os03g0801900 (Os03g0801900)
mRNA, complete cds

CCACGATATCCCGAATCGAACCGCCACACAAGATTGGATCCTGTGGGACATCGATGTTGTTGAGATTCAAGTG
TCTATGAATCATAGAGCTCCCACAATTG

>trans_s_11753NM_001073600|Oryza sativa Japonica Group Os12g0568800 (Os12g0568800)
mRNA, complete cds

CATGAGAAAAGACATGGATGAAGTTGTTATGAAAAGTCCATTGGAGTCCTTGGAGATTGGCTGATACTG
GGGAGCAATGCTGGTTCCTTGATTCTCG

>trans_s_11754GU339036|Actinidia deliciosa cultivar qinmei GDP-L-galactose phosphorylase (GGP)
mRNA, complete cds

CTATCAGAAGAGAGGTTTCAAGAAGTGTGTGCTCTCATCTTCGAAGTTATCGACACAGTTGATGCTGAAAATA
CTGAGTCGCTAGATCATGCATTCAGTTC

>trans_s_11755NM_001060894|Oryza sativa Japonica Group Os04g0691500 (Os04g0691500)
mRNA, partial cds

GCAGCTAATTGAAGTACGCCCACTTTCTTGGAGCCACACCTGCGGAATGTAATCGAATATATGTTGCAAGTT
AATAAGGATGCCGACCTCCTTCAAAAGT

>trans_s_11756NM_001073274|Oryza sativa Japonica Group Os12g0465700 (Os12g0465700)
mRNA, complete cds

GTGGTTAGGGTGTAGTCAGCTTAGGTTGAGATGGCTATGTGGTTTCAGTTTGACGTTAAATTCAGCAGACTCC
TTGGGTCGTAGGTCAGACACCGCCCTCT

>trans_s_11757Novel Gene

TTCCAATAAGTCGTGGAGATTTTTTATTATCCTATAATTTGTTTTCAACCTAATTCTTATCAATTTTTATGTCCTTT
GCTATCCCTTTAGAACGAGCACAA

>trans_s_11758CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

CAAGGACTGGGCAACTATTTTTGAAGGTTATCCATACAAGTGTCTGGGCTGGACAGAAGCGTCTTGGTCAGTT
GGCCAAGTGGAAAACACGTCTTCTTCCC

>trans_s_11759NM_001050117|Oryza sativa Japonica Group Os01g0617500 (Os01g0617500)
mRNA, complete cds

AGAGGGTGAACGCTGCGAGCATGGAGAGATGCTCTTGATAAGATTCTTTGTTGGATGAATGTGGCTCTCTT
GAAAGAGCTCTGGGTGAGGGTATACAGT

>trans_s_11760HM122456|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH2)
mRNA, complete cds

GCGAGGCGCATATAGAATCGTTGGTTAAGTTTCTCACGTCTCTGTCGCTCGGCTTCCACATGATTCAATGGTTC
TTCTCTCCATTAGCAGGTTTTCTCCC

>trans_s_11761NM_001069190|Oryza sativa Japonica Group Os09g0244200 (Os09g0244200)
mRNA, complete cds

AGTACGCGCGGGCCACCAGAACGGGCGGAGTAGGGGGATGGTTTCAGTTGGAGGTGGGAGCGCGAAGGC
GGAGCGCGAGATCGTTTGCGGGTCTTTGTGA

>trans_s_11762NM_001052267|Oryza sativa Japonica Group Os02g0123200 (Os02g0123200)
mRNA, complete cds

AAATATTCTTCAAATTACGGTAGTAGATTTTTATAGACAACATCTCCATGACTTTCATTTGCTTGCAGACGAGA
GTTCCAGTCTGCAGACCAGATGTTTT

>trans_s_11763NM_001185687|Oryza sativa Japonica Group Os01g0812050 (Os01g0812050)
mRNA, complete cds

TGCAAACGTACCACCCATATCTACAGCCAGACGTAACCCATTTGATCTCCCTTATGATTCTTACAGTAATATGG
GATTACCACCAATTCTGGGTCTGCTC

>trans_s_11764AF142731|Wisteria frutescens maturase-like protein (matK) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

ATATGTATACATAGGTAAAGCCGTGTGCAATGAAAAATGCAAGCACGGTTTGGGGAGGGATTTTTTTTACTTA
TTTTTTTAAGTATTCTGGTGTCTAGG

>trans_s_11765AL161494|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 6

AACTGGATACCAATATCTACGCAAAGTTACACCTAACAACTAACATAGTCCTTGATCAACAAAAGATGATTG
CAGTTTGCATTCTAGAAAAGTATCTT

>trans_s_11766XM_001699361|Chlamydomonas reinhardtii flagellar associated protein (FAP165)
mRNA, complete cds

ACCGCTTACGGCCCTACCCTCCCCCTCCGGCCTGCAGCGCTAGCCAGGGTCGTGTTCTATGCCACCATTTGG
GCGGGACAATTACGCCGCTGATGAGT

>trans_s_11767CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

AGACAAGAGCAAGAAGTCCAGGTCCAGGATCAAAGGACCCACTAGTCCAACATCGCCTCTCAACCCACGTTT
CTGTGGCATGAGTCTCGAGTCTCCTACA

>trans_s_11768NM_001066602|Oryza sativa Japonica Group Os07g0573400 (Os07g0573400)
mRNA, complete cds

GAATGGGGCGGCGAAGTTGTTAACTCTGAATCCGACGGCCAACATACTTCCACTCAGATGGGGAGCGGCCAC
TTCCCCGGTGAGGGCTTCCCGTTTCGGCC

>trans_s_11769XM_002306638|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS50),
mRNA

CCAAGAGATAGTCAAGACAGAATAAACGTAGAAAGCCAATGCTTAGCAAAGGACATCGTCAACATTGTAGCT
TGTGAAGGTGAAGAAAGAGTAGAGAGATA

>trans_s_11770AF509871|Petunia x hybrida nam-like protein 8 (NH8) mRNA, complete cds

GGGACAACCACTTTTTTGAAATATCCTGCAAAGAACATAAGCATCCTGCACAACCCCAGCTTTCTCCAAATCCT
CATCGGTAAGTCTATATTCATGCATCA

>trans_s_11771NM_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,
complete cds

AATGCCCTGGGAGCAGGTTCGTGATGTAAAGGTTCTGTATCATATTACTGGAGCAATCACATTTGTTAATGAA
ATACCATGAGTGGTTGTTGGATACGTAA

>trans_s_11772AY106696|Zea mays PCO138889 mRNA sequence

TTTGGCGAGGACTCTGAAGAGAAGCAAATTGATGTGGGGACTCCATTGGAGACACAAAATGCACATTTGTTG
GGTGTTAATTGCATGATGTTGGTACCACC

>trans_s_11773NM_001050321|Oryza sativa Japonica Group Os01g0663400 (Os01g0663400)
mRNA, complete cds

TAATAGTTAAAAACAGGATTTTATCGAGGCAACTAGGGAACCCAGCCTCACGTTTGTACTTGCCACGGGTG
CAATATATTAGGACTTGGCAAATTTCTC

>trans_s_11774XM_001698181|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTTACCCATTCTTACCCTTTCTGCTGGAGATCCGATACTCCCCTTATCTACAGGGCTGTCCCAAGCTGGTTTGTC
CGAGTTGAGAACGGCCCTTGTCTGCA

>trans_s_11775AF019910|Glycine max grr1 (grr1) mRNA, complete cds

AACTGCAGTGCAAGTTTGAAGGCTCTTCTCTCATAAGCTGCTTGGGAATTAAGGACATTAAGTCTGAATTGCC
TATCCCAGCCTCTAGTGGCGAAGTGCG

>trans_s_11776Novel Gene

CCTTAGGAAAATGGGTAATTGTAGAATCTTCTAAAGTGTTTTGGGAATAGTGAATCAAAAGCTGAAAAGCCTT
TATATAATCGACTACTTAAAGTAGGGTG

>trans_s_11777NM_001058350|Oryza sativa Japonica Group Os03g0835100 (Os03g0835100)
mRNA, complete cds

TTGGGATTTTGTGAGAATGCGAATAGAAGGTAGATCGTCATAGTCATCTTCTGACGTGTCGTTGAGTAGAATA
GCTTCAAAATCATTGTCCACACTCAATG

>trans_s_11778XM_002875068|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CHR19/ETL1, mRNA

TTTGC GTGCTTGCTTTCTACTAGAGCGGGGGACAGGGGTTGAACTTAACCGGAGCCGATACTGTTGTCATTC
ACGACATGGATTTC AATCCACAGATTGA

>trans_s_11779NM_001069845|Oryza sativa Japonica Group Os09g0446800 (Os09g0446800)
mRNA, complete cds

ACAGCTGCCAACAATCTCTTAGCTGCTGCTATTGATACCCGAATTTTTCATGAGGCATCGCAGTCGGATAAGGC
TCTTCCGGCTAATCGGTAAATTACCC

>trans_s_11780Z67988|C.chinensis mRNA for chalcone synthase

AGTCTTTGAGCGCAGTGGGCATCCACCTTTTGGCTTAGTGAGCACGAAAACCCGGTTTCACTCTCTAAAGTCG
GATGGATCGGAGACGAACCTCACCATCA

>trans_s_11781XM_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family
protein, mRNA

TGCCCAGGGTTC CAGGAATTACCTGCACATCTTTTCCCATGCTCTACGAGTCAGTTCGCCCTGAGTTAGGAG
AGAGTACCCGTGAGCAGTGTCGTTGGC

>trans_s_11782HM104636|Capsicum annuum pentatricopeptide repeat-containing protein mRNA,
complete cds

AAAAACAAGATTTTTTAAATATGCTGCTCGCCCCCCCCCTGGGGTCCGAGTCCAGTAGCGGTGTGATCGCTC
GCCCCACGAGTCGAGGCTCGGTGCACAA

>trans_s_11783NM_117537|Arabidopsis thaliana acylaminoacyl-peptidase-related (AT4G14570)
mRNA, complete cds

GAACTGGAAAGGTCAAGGGGATTTTAAAGAAGACTGGGGGGAAGCTTATGCAGGTAAAAGGCAACCTGCTC
TCTTTGTCATCAACATTGACAGCGGAGAGG

>trans_s_11784Novel Gene

CTCTAAGTTTCAGATTGAGCATGGAGATAAGCAGCAGAACCCCTTTGAAGGAGACAGTTGGTCAAGCTATTTT
GGACGGACTGATTCATTTCTCAGCTTTA

>trans_s_11785Novel Gene

AACAATATTGTGAACGACGCTGCATCCTTGATCATGGCATCGGGTAATTCTAATCCACCGGATATTGATGAGG
CGAGTACGCTACTCAAACGTGTTACACG

>trans_s_11786AF417302|Castanea sativa 26S proteasome regulatory subunit S12 isolog-like protein mRNA, partial cds

GGTGGCAGTGCATTGATACACGAATTTTATTCAAGAGAAGTTGCAAACCCTATTACCTTACTGTTGATACTGG
GTTTAAGAATGGTGAAGGGACAGCGGG

>trans_s_11787XM_002871296|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transmembrane CLPTM1 family protein, mRNA

AGGACGACGTAGGCGCTTCTAATGAAGATTATAAGTACCAGCTCATTTACTGTCTCGTTGATTGAACTAGCT
TATCTCTAAGTAGCCAAAACCTCGTTGA

>trans_s_11788FJ388886|Medicago truncatula plastid carbamoylphosphate synthetase large subunit (CPSI) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

TCCAATACAGCGGTATTTAGATGAAAACAAGCTCATATCTGCCAGTGGCGATGGACATGTTTCGCATATGGGGC
ACTTCTCCAGATTCTATTCTACCGGCTT

>trans_s_11789BT030377|Arabidopsis thaliana At1g76360 mRNA, complete cds

GGCGTGGTTCTCCTGGAGCTCTTGACGGGACTACGGGCAGTGGACCCAAACCGGCCGAGTGGTTCACACACA
GGCTGTTTGGTTTATTCTAACGACACAGA

>trans_s_11790XM_002892806|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein-protein interaction regulator family protein, mRNA

CGTATCAAATTTGCAGGAAACCATGGACAAAGAGTTGGACACCCATAGACTCAAGCATGATGTATACCTAATG
CAGAACTATTCAGTATTGCACTGTGAGG

>trans_s_11791XM_002320058|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

TGTGTTGTATATGAAGTTAACATACGACCTTTCCAAGCATTTTTTCAGACAGGTTTACCCATATACTCTGCAAAG
GCTGTGCGTTTTCGGTTTGGTCACAA

>trans_s_11792NM_001072319|Oryza sativa Japonica Group Os11g0155000 (Os11g0155000) mRNA, complete cds

CCGATTCCATAGGCCATCGGGTAAACAAATGTAAAGCATCAGGTTTGGGAGAAGGTTGAGATTTTGTTCCTGC
TCTGGAAGAGTTGATATTGTTAGCCAGA

>trans_s_11793Novel Gene

TTTTTGGTAGAAGCGCAAATACCTTTGGATTATTTCTAGGATTTTCAGTTTTCAATAGAATAATCTTGGGCCTTT
TGTAGGTTCAAACCAATGCTCAAAAC

>trans_s_11794NM_119768|Arabidopsis thaliana pathogenesis-related thaumatin family protein (AT4G36010) mRNA, complete cds

GCATCGACATAGCGCGTGGGCAAGCGTTTTTGAACACCTGCGAGTACGCGGAAGGTTTACAAGTATCTGGAG
TCCCGTACTCGCCACTACAACAATACTGC

>trans_s_11795XM_002314627|Populus trichocarpa argonaute protein group (AGO907), mRNA

ATCAAGCTTGTGGATGAAGAAGATGGAGTCAGTGGTCCCAAGAGGGAGAGGGAATATAAAGTACTTATTAA
GTTCTGTACACACGTGGCCATGTGTGGGG

>trans_s_11796AF097667|Mesembryanthemum crystallinum protein phosphatase 2C homolog
(PP2C) mRNA, complete cds

TACACAAGGGTTCGATGCTGGTGGTTCGACAGGATGGTCTCTATGGTACAAAGATAGTGGGCAGCATGCCA
ATGGTGAGTTTTCAATGGCTGTATGGGTT

>trans_s_11797Novel Gene

AGGAACAAGAACAGACACACCTTAACAAAACCAATATTCTTCATCTCTATCTCTCTCTCATTTCAGCATAGAAG
AGAGCTGAGATTTTCTCCCTTTGAGAC

>trans_s_11798AB072299|Ipomoea nil InAP2B gene for APETALA2B, complete cds

ACTTCTTCTCGCTTGATCTATAATTTTGGTGAAGTCGAAAATCTTATTTTGAAGAACTTTCCTTCTGGCTGGCC
TTTGCCCCGACACAACCCAGAGGCC

>trans_s_11799CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

GGCGAGACTTTAGTCTAAAGACAAAGGGCTGAACTTCGTTGCACTCCTTTTCAGGGATAAGTCTTTCTTTTGA
TTGAGGGCTTCTCATTCTCACCTCAAG

>trans_s_11800AY524004|Cucumis melo transposon Mu-like transposable element CUMULE,
complete sequence

CCTTTTGCCCCCACTTGCCTGTGTCTGGGCTGTCCTAAAAGTCTTTCTTTTGAAAAGTGTCCCAAATTCATTTA
AAGCTCTTTTTTTAACCTAAAAAAC

>trans_s_11801Novel Gene

CGTAATTTATAGAGTCATTCGTGAGTCCGTAGCACGTCCTCCACGCCTAACTCGTCCTTCCATTTCTCAAGCT
TCGTGCTCCTCGACGCGTATGAGTGA

>trans_s_11802EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted
repeat, complete sequence; chloroplast

ATCGGTTATGAACTTATAATCTAGAATCTGATGATCGAGTCGATTCCATGATTATAAGTTCATTCCATACCGGC
CCATCCCCTATGGACCCGAACCTGGGT

>trans_s_11803AB204874|Phaseolus vulgaris Pvphot2 mRNA for phototropin, complete cds

AAGTCGAGTTTCTTTAATGGGTTTCAAAGGGAAATCTCTAAGCAGTGCAAGGAAGCTTGAAGTAACAGATTTT
GAACCAGAAATTTTGATGACCGATGAAA

>trans_s_11804DQ116445|Gossypium hirsutum 24-sterol C-methyltransferase (SMT1) mRNA,
complete cds

GGGGAGAGAGCTTTCATTTTGCTCCTAGATGGATTGGTGAGTCTTCCGGGAGAGCAGGAAGAGGCACGAGC
ACTTCCTTGCCCCGAGACCAACCCAGGA

>trans_s_11805AJ303345|Lycopersicon esculentum lateral suppressor gene, ORF1 and ORF2

TCTCTCGACATTGATAGGCCTACGTATACCAACTTGAATAGATTGATATCTCAAATTATTTTCATCCTTGACCACT
TCATTGAGCTTCATACTCGCCTACAA

>trans_s_11806AY104354|Zea mays PCO108571 mRNA sequence

AACTGCCATCCATGATTTTGAAGGTGATCAAACCTTACTCTGAGAAGCCAGGCCATAATTTTACGCTGACCGCTG
ATTTTGAAGGCTTGGATGCATCAAGTT

>trans_s_11807XM_002883059|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AGGGACCATTCAAATTTTGCTCAACTGTCTAAGGTTCTCTCCAGATGGCAGCAAGTTCATTACTGTAAGCTCCGA
CTTCTTCCCTTATTATATACTACGCTT

>trans_s_11808DQ975456|Capsicum annuum 26S proteasome subunit RPN7 mRNA, complete cds

TATTGACGGTGATCGGAAAAGTCCCATATCTTTCTGAATTTTGAACCTTTGTATGACTGTCAATATAAATCCT
TTTTCAATTTGCCCCACGGAGCAAGT

>trans_s_11809DQ455461|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BT34M23_408 sequence

CTAAAGAGCCGTTGAAGACTACGACGTTGATAGGTTGGATGTGGAAGCATAGTGATATGTGAAGCTGACCAA
TACTAATTGCTTGCAACAAACCCCGACCC

>trans_s_11810XM_002866921|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA recognition motif-containing
protein, mRNA

AGAATACATGAGCAAATTTGGGGAGTTGGAGGATTGTATTGTTATGAAGGAGAGGTCAACTGGTCGGTCTCG
TGGTTTTGGATACGTGACATTTGCAACAT

>trans_s_11811NM_101234|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol 3- and 4-kinase family
protein (AT1G13640) mRNA, complete cds

TCCTCGTGAGTGAGTGATCTTCACACCGGCTGTGCGAGGCACGTTTGCAAATGCTCATAGTCAAGAAGATAA
GCGGCAACCTCTCTGAATCCAGTCTCAC

>trans_s_11812XM_002886091|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FAT domain-containing protein,
mRNA

CAGTGAAGTTTTAAGGCCCTTTGTGCAGGATCTGTTGAAGGTCGCCATGTAAGTGCTTACCACAGATAACGAG
GAGAATGGCTTAATTTGATAAGCGTATA

>trans_s_11813NM_001060717|Oryza sativa Japonica Group Os04g0666900 (Os04g0666900)
mRNA, partial cds

AAATGTGTAGGACACCAGCAACTCTCATCTTAAAAAAGACTGCAGTGTTACTGCTACCGAATTGCATTATATCT
CTTAATTCAGCAGAATGTAAATACTCC

>trans_s_11814Novel Gene

CATACTGCGTAATTGATCCATGCGTGCCACGCTACTCTACTCGTGTCTAGCTCGTCTGAGAGCTAAGCCCATT
CTAGCCACCCACTCTCCATTTTCAGATC

>trans_s_11815Novel Gene

CCAATGATTTTCAAGTTCTATTTTCTACTGACAAATGGCTCACTCTCTTTCTTTTCTTCTATTGATTACCGTT
AATTTTATCTGTACCTTGC GTTGA

>trans_s_11816XM_002301440|Populus trichocarpa multidrug resistance protein ABC transporter
family, mRNA

CATGCAGTTATTGCGATCTTGATAATCCATGAAAAAAGATTTAAAGCTTCTAAGCATCCTCTTACTCTACGAATT
TACTGGGTCATAAACCCCTACGGCGGC

>trans_s_11817AJ133751|Spinacia oleracea mRNA for chloroplast ribosome recycling factor

GAGAAAAAACTTTCGGAAGATAATGTTAAGGACTTGTCAGTGATTTGCAGAACTGACGGATGACTATATG
AAGACTCTTTCGAGGCGGACACCACTTTT

>trans_s_11818AF127564|Arabidopsis thaliana ubiquitin-protein ligase 1 (UPL1) gene, complete cds

CCTTGCTCCGGTTGCAAAGAGTCACAAGCAAATCTGTTAATGTGAATGCCATTGTGTCACTACTCTGAAATAAT
CTCACTGATGCAGCCAGAATATCATCA

>trans_s_11819DQ861603|Pseudobersama mossambicensis voucher Bidgood, Abdallah & Vollesen
1426 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1 and 5.8S ribosomal
RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GCCTGGGGCAGGCCTACCTCCTTTTAGCACGATCTGGAGAATCACCTTGTCTCTGAATCATCGGATTTTCTTCT
CTCTCCGAATAATCGGATTGAGCCGT

>trans_s_11820XM_002865909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FTSH11, mRNA

GCAAAGGGAGCATGCTGTAGACAGTAGAGGAGTAGTGGAGTATCTTCGAGCACTTGTTGCCACCAATGCTAT
TGCTGAATATCTTCCTGATTCTCTTCTGT

>trans_s_11821AF400660|Selaginella doederleinii 23S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 2, 4.5S ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 3, and 5S
ribosomal RNA gene, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

GCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACGTGCCGGCCGGGGGTACGGACTGGGAACTTAGAAGGGTTTTTAA
GGAAAATTTATGATCCACTGACCAGACTC

>trans_s_11822X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

AGAAAGATCGGAACATGGGAATAGATTGGATACCAATACGGACTACCTATTTCAATTGTTGTGCTTTCTCAA
TTGCATACCTATGTGGAAACCTGGACCC

>trans_s_11823AY450641|Solanum tuberosum cathepsin B-like cysteine proteinase mRNA,
complete cds

ACAGGGACAGTCGGGATACTTTGTTTCGTCATGGAGTTGTTACTGAACAGTGTGATCCATATTTTGACACTACT
GGTTGTTCTCACCTGGCTGTGAACCTG

>trans_s_11824XM_001690085|Chlamydomonas reinhardtii peptide deformylase (PDF1B) mRNA,
complete cds

AAAGAACCTACTTAAAGGAAGAAAATCAAGCCCTACTCCTATCTTTTGGCGTCGGACTGACGGCTTGAAACCC
AAAAATAATCGAAAGCCTATGGCTCAA

>trans_s_11825NM_111295|Arabidopsis thaliana SEC (secret agent); transferase, transferring
glycosyl groups (SEC) mRNA, complete cds

CATTGAATCCTCTTCTGGTTGACGCTCATAGCAACCTCGGGAATCTCATGAAAGCACAAGGGATGGTTCAAGA
AGCGTACAGCTGCTACCTTGAAGCTTTA

>trans_s_11826Novel Gene

GTTCTACGTGAGACTCATCACATCCTGGGGTTGAAGAAGGTCCTGGAAACCTAACCACCTATTAGCGAAAGTG
GTACGTGAGTTGGGTTTAGAACGTCGTG

>trans_s_11827XM_002881757|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S2, mRNA

GGATGTTTTCACTTCCTCAAGGGGATCCACAAAGACACTTGAAACTTTGTGAAGGCTACCTTTGATTGTCTAT
GTCCCCAAGCGTTGGGAAGTCACAAAT

>trans_s_11828NM_001064331|Oryza sativa Japonica Group Os06g0538000 (Os06g0538000)
mRNA, complete cds

ATTTTATCAAGCACAGCGAGTGCATCCTCTAGAGCTTTGTTATAGGCCCGACAAATGACAGTTGGGTGATAAT
TTTTCTCAATGAAGGCCTCAGCAACATG

>trans_s_11829Novel Gene

CAAGCAAGCTTCGTCCAGGTTCCGTCTTTCTTTGAGGTAGAGACCAGCTTTTTTTCTTCAGCTATTCTATTGT
TCTGTACTGCCAAGGGTTTTGATGGG

>trans_s_11830EU185335|Fragaria x ananassa cytosolic fructose-1,6-bisphosphatase mRNA,
complete cds

CGAACCTAACCTAGAAGACGTCTTGCAACCTGGAAAGAATATGGTGGCTGCTGGCTATTGCTTGTATGGCAGC
TCTTGACACTTGTGGGCCATACTGGAA

>trans_s_11831Novel Gene

CTAGTTCTTTTTATCCTCTCCTTTGCTGCCGATTCCCCTGTGCTGCTTACTAATAATTACTAAGCAAGATAGAG
ACTGGAACGAAGGGTCTGACGAAAGA

>trans_s_11832Novel Gene

ACCCTAAGATCGGACAAGGCTCGAGGTGGTGTATTAGGAGGATTTGTCGTTGAAATCTCACTGGAGAAAGGG
AAATCAGACAGCGAGAAGCTATCTTCAGA

>trans_s_11833NM_001070266|Oryza sativa Japonica Group Os09g0527600 (Os09g0527600)
mRNA, complete cds

TTCGTCCCTTCTCCCCCTCCAACCTCACTCCCAGATTCTGTATTGACTTTTGTCTTCAACTGGACAGTCTTGTT
CTCTTCCAACCTGCTCTTCCCTTC

>trans_s_11834XM_002303375|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

GACCAAGACCAACGCTATTGTTTGGCCCCGTAAAGCTACTTAGCCATTGATCGCAATGCTCCGTCTTGGCTGGA
AGTTCTTGGGTGCTGGAAATGTGTCA

>trans_s_11835Novel Gene

ACGTAATTGGAATACAACCTTACCATTAAAGGGTAGGTTTAACTCTTCAAACAGGGATTGAGCGCTCTAACC
GCTGGACGACAACGGAAGGAGCCGTTT

>trans_s_11836XM_003064662|Micromonas pusilla CCMP1545 peptidase, mRNA

TGGTCTTTGGTGGAAGGCCGGTGATCAGGCTCAGCTGGAACCAATCACGACATGTCACCCTGTTGCCAGTCCA
GTTGTGGAAATACTCATGACCAATCACT

>trans_s_11837EU710844|Lotus japonicus beta-glucosidase D4 mRNA, complete cds

GAAGCAACTCCCTAAAACTTTGTTGTTGGTTGTGCATCATCTGCTTATCAATATGAAGGTGCTGCTAAATTC
ATACCCTCTCCTGGTTCAATATGGGCG

>trans_s_11838AY103673|Zea mays PCO073638 mRNA sequence

TCTTGGGGCTGAGACATTGTGTGGATTACATCCAGTAGAAACCGTTTCAACCGTTAGTAGAATATGTGCTGAG
GTAGCCACACACACGCAGAGCGAGGGT

>trans_s_11839Novel Gene

AGAAACTTTATCATGATTATAACCGCCTCTGAACTTTATTTCTAGAATATGTATTGAATGATGGACCATACTGGT
TAAGTTGTTAAGACCTCTGGTTTTTG

>trans_s_11840DQ132273|Arabidopsis thaliana ecotype Lisse-1 At1g19700 gene, partial cds

ATAGAAAAATTACAATGATAGCAACTGAATGGCAGCATAGCACGCTGGTTGCAGCAGATGCTGAGAACTCAT
CATAGCCAGGATCAGCAACGTTACGGTTT

>trans_s_11841FJ687157|Salicornia brachiata mitogen activated protein kinase kinase (MAPKK)
gene, complete cds

TGGAACCGAAGAGTCTTTGGATGGAAGCGTCATAAGCGAGACCGAAGGTGGGGATGGTGTGTTGACTCTTG
AGAAATTGAAGTCAGCGTTGAGAACCGAAC

>trans_s_11842AY365248|Cucumis sativus 60S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

AATCAAAGTAAAGTTCAAGAGAAGGAGAGAGGGTAAGACTGACTACCGGGCCCGAATCCGTCTTATTAATCA
AGACAAGAACAAGCACGATACTCCCAAGT

>trans_s_11843Novel Gene

AATGGGGAAGTTGAGCGAAGGATTGTCTCACA ACTACTGACCCTCATGGATGGACTGAAGTCTCGTGCTCATG
TCATTGTGATGTTTTCTGTAGGCATCAC

>trans_s_11844Novel Gene

CTTCCTCGACTTCTGAAGACTTTCAGGAGTCCTCGTCATCTGCTACTTCATCTTCATCCTCTCCACCATCATCATC
TTCGATAGCTTGACTAAGAGAATCT

>trans_s_11845XM_002875876|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutamate-1-semialdehyde 2,1-
aminomutase 2 (GSA2), mRNA

TTTGTGTCATTGTTGCACGGTGCCTGCTGGTGCCACCATTTCATGATCTCTCTTCGCCCTCCATATGCACCAT
GCAGAAGGGCTTCGTGGAATCTCTTG

>trans_s_11846NM_124077|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related
(AT5G47060) mRNA, complete cds

ATGCTAGATTTGAAGATCACCATCACCATTCTTGGAAAGCTTGTTTTCTCTGCAAGAAACCGCTGTCTGATAAT
AAAGACATTTTCATGTACAGAGGAGAC

>trans_s_11847XM_002312224|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

CAAGGCCATGTCTATCCTTCAACTCCTTCTTCCATAACGATATTGAGAGTCAAGCCATTCTTGTTACCTCTATG
CACGAGGATGGGTCCCAGAATTACAA

>trans_s_11848XM_002867057|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata auxin-responsive family protein,
mRNA

AATCCAAAACCTCCACGAGTGAGGTTGGCTGCCGACCTTTGGTTGCAAAACAGGCAAGGCTTCGCGCATAAAT
CAGTTAATAAAAGAATAGAAAAAGCTTT

>trans_s_11849NM_001052844|Oryza sativa Japonica Group Os02g0219000 (Os02g0219000)
mRNA, complete cds

ATTTCTTCTGCTTTTCCCTTTTTCGTTTCTGTTTGTGTTGGTTGAGGAGCTTGTGTGCTGGCCGCCATGGGAGGAGC
AGTCGGTTCTGAGGGGACTTCGGGGG

>trans_s_11850AJ308541|Lycopersicon esculentum mRNA for Xaa-Pro aminopeptidase 1 (app1
gene)

TGATATCGGTTGTTCCGTCCAAATACTGAGCTCCCGAGTCAAAAAGATAGATGCTTTCAGGATCCAACTCAGC
ACACGTCTCTGGTTTTGCTCCATAATGT

>trans_s_11851Novel Gene

GCTTCTTTTTGTTCTACGAATAGAATCGAATTGTTCCATTACTAAGGAGGCGAGTCGGGCGCCGGCTTCC
CTATTGGAGCGGCTTTTCTGGGGA AAA

>trans_s_11852NM_001071258|Oryza sativa Japonica Group Os10g0447600 (Os10g0447600)
mRNA, complete cds

AGCTTGCCAAACAAAAGCTAATAGAAAAATTCAATTCAGTTCAACAGGCAAAATGGGACAGCGCATATTAAGT
CGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTC

>trans_s_11853NM_001123987|Arabidopsis thaliana TOR (TARGET OF RAPAMYCIN); 1-
phosphatidylinositol-3-kinase/ protein binding (TOR) mRNA, complete cds

TGCTAGTGGTGATGGAAGCAGTAGTGGAACCTTTCTACAGGGCTGTCTTATTAGTTCGTAAAGGAAAGTATGAT
GAAGCACGTGAGTATGTTGAGTCTCGGT

>trans_s_11854XM_002886588|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata potassium transporter family
protein, mRNA

CTATGATTGCAAGCCAAGCAATGATATCTGCAACCTTTTCTTGTGTCAAGCAATCTATGGCTCTTGGATGCTTTC
CGAGAAATGAAGATAGTTCATACCTCT

>trans_s_11855FJ123233|Pinus taeda isolate 7759 anonymous locus CL1244Contig1_01 genomic
sequence

TCTTGGA AAAATCTCATCCATGGGTTGAAGCAATTCGCAGAAGGCAAAGGACAATGTGGCGACCCGTTCTCTGG
ACTAGTTATCCCCTACAACACGGTAAGT

>trans_s_11856NM_148621|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein
(bHLH125) (AT1G62975) mRNA, complete cds

ATGGCACCGATTGTTGATGCCTAGGAGGCACGAGATCATTATTGATATCTCCAGCAGACAATCTCTGAGCAGG
AAAGTTGCGTGACCACAAGAGGGTCCAG

>trans_s_11857XM_003074496|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g04800) mRNA,
partial cds

GATGGGCGCTGTGGGTTATTATCAGGGGTTTGTGAAGCAATTGCCATGGCTTAGTGTCTCTCGAATGCAGAG
TGCGGGAGACTCTACGCGGCAGTCGTCT

>trans_s_11858DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

CAGGTGGAAGGTTGTAGGCATGTATCTTAGGCAAATCCGGGGTACTGTATGCTGAGAACTGATAGCAAGCTG
TACTTGACAGTGAAGTGGCTGATACCAT

>trans_s_11859Novel Gene

AGAGGCCCTGAGTTCTTGCAATTACAAGTGCCATTGATCCCCGTGAGGAACTAAGGGAGCAGAAGTGCTATAA
AGTGGATTCTGCAGCGATTAACGGAAGTA

>trans_s_11860Novel Gene

TGGCGTGCTATCTGAAACTGTAGAACATACTGATGGTTCAGCTGACATTCATGGTTTTGATTCATATAATGCAG
AAATGAGCTGAGGCCCGGACAGGAGAG

>trans_s_11861NM_001124925|Arabidopsis thaliana CPuORF6 (Conserved peptide upstream open
reading frame 6) (CPuORF6) mRNA, complete cds

TGGGCTCATCCTTTTCTATTATGGAGAACATGATGTTTGTAACCACGTGAAGAGTTTGATACTACACCCGAAA
CTCACGTTGTTGTGAGAACTTTCCTC

>trans_s_11862NM_101398|Arabidopsis thaliana binding (AT1G15290) mRNA, complete cds

AGCATTGTCTCGACTTAAAGAAAGTGGAACTGGTCTTCATCTAAAGACAGCAGATGAGCTAATGGTGATGGC
ACACAAGTACTATGATAGGGCGTACGCAT

>trans_s_11863DQ002408|Zea mays gypsy retrotransposon huck, and copia retrotransposon ji,
complete sequence; and helitron Mo17_14594, complete sequence

GGGACGAAGCCCACTAGGATACAAGAGACCTCCCTCCTCGACTAGTCTAGGGGTCTCTGATTTGACCGA
TAGTCGGACTGATTTATGGAATTCATT

>trans_s_11864AY280662|Fragaria x ananassa polygalacturonase-like protein mRNA, complete cds

AAGTCCATGGCTGTTTCTTTGCCTTTGGTGCCAAGCCGATTGTCACATTGGAAATGCATATATCTGTGAATGTG
TCACCTGAAATTCCTCCAATCTAGCT

>trans_s_11865XM_002876605|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata metal ion binding protein, mRNA

TGTCATACCATCAAATGCTTCACTCCCAAGATATGCAGCAAAAGCAATCAAACGGAAATAACGCTCCAAATACT
CAGCTCCACGGTTCAGGGCTACCCTCC

>trans_s_11866NM_128156|Arabidopsis thaliana KH domain-containing protein (AT2G25970)
mRNA, complete cds

TGAGCAGTTTGTTATGAAAATTCCTAATAATAAGGTTGGCTTGTTATTGGTAAGGGTGGTGAAACAATCAAA
AGTATGCAAGCTAGGACTGGAGCACGAT

>trans_s_11867FJ787421|Nicotiana repanda protein kinase-coding resistance protein (RGA71) gene,
partial cds

GAGATACAACTCTTGGGAGGATTCGACATCGACATATTGTAAGACTATTGGGGTTCTGTTCAAACCATGAAA
CTAATCTTTTGATTTATGAGTTTATGTA

>trans_s_11868XM_002880771|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nitrate transporter, mRNA

GCAGATTCTTTCCTAGGAAGATATAAGACAATAGCAATCTTTGCCACAATACAGACACTGGGAACTGGAACCTC
TAGCAGTAATAACAAAGCTACCACAACT

>trans_s_11869Novel Gene

AACGGTGGAAGGGATAACGGGCCGTTTCTCGGTGACCTAATATTGCACAGTGGGTTGTTCTCTGTCCGACATC
CACTTTTAGACGACTTAAGCGTATAGTG

>trans_s_11870GQ997940|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 clp protease proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCCGTATGCATCAAAAGGTGCCCCGTACGGTTCTTAAGGGATACAATTTTAT
CCTAATCAACCGACAAATATAGAGGGAG

>trans_s_11871XM_002308728|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

TATGGCTTTGCAGGGATGCCACCAGCAACTCCTACAAACATAGCAAGCTGGCTCATGACTGGAAGTATTTTCA
ACTACTTCGTCTTCCGATACTCATTATA

>trans_s_11872AF121196|Populus x canescens 14-3-3 protein (14-3-3P20-8) mRNA, partial cds

TGAGCTTTCCGATGTCTGCGCGAGTATTTTGCAGCTTTTGGACTCGAATCTTATTCCATCTGCCTCTGCTAGTGA
GTCTAAGGTCTTCTACTTGAAGATC

>trans_s_11873NM_001187409|Oryza sativa Japonica Group Os05g0310500 (Os05g0310500)
mRNA, partial cds

AAGCAATCGTCCTGGAGCGGAGGAGAGGAACGAATGAGTGTGGGATTGAGGAAGATGTTGTTGCTGGTTTG
CCCTCAACAAGAAATATTGCCAACCTCCC

>trans_s_11874Novel Gene

AAACAGCACAAAATCGTTCCACCACCCAGATATCCATGCTTTTTCTTTTTCTTCTACTACGTCTACTGTGTGTGT
GTGTGTCTGCGTCTCGTCTATGTG

>trans_s_11875AF055707|Brassica napus ribosomal protein S4 (rps4) gene, complete cds

AGTGGCTTGACCAGTAAGCAATGGCGAAAACCTCAAAAATCTATGTGGGAAATTGCTCCAAAACGGGATAAAC
CTTCTTGCTCAACCAAGTCCCCCTTTT

>trans_s_11876DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

TCACGGGGAATTCAATTTCACTGAGCCTGTGCTGGAGACAGTGGGGAAGTCGTTACGCCATTCGTGCAGGTC
GGAAGTTACCCGACAAGGAATTCGCTA

>trans_s_11877NM_101949|Arabidopsis thaliana emb1507 (embryo defective 1507); ATP binding /
ATP-dependent helicase/ helicase/ nucleic acid binding / nucleoside-triphosphat> (emb1507) mRNA,
complete cds

AGGTAATGTCGTTTGCAGGAAAGCATCAGATTCTTATCTTTGTCCATTCAAGGAAAGAAACATCCAAAACAGC
TCGTGCTATACGAGCGTAGTAGAGGTA

>trans_s_11878NM_001186358|Oryza sativa Japonica Group Os03g0182600 (Os03g0182600)
mRNA, complete cds

TGGGAGAACTTCAGCTGGCTGCAAGAGTTATTGTGGGTATTGAGAATCCTCAGGATATCATTGTTTCAGTCTG
CTCGACCCTATGGTCAGAGGGAGTG

>trans_s_11879NM_001124934|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G28840)
mRNA, complete cds

AGCTAGACCTCTACTCTCCCTCCGCTCGATCTGACCATAAGCAGCTGCGATGTGCAGAGCCGACATCCTGGAA
CGAGGAGTGGTCTGTTCCAAAACAGTT

>trans_s_11880EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete
cds

AGTGCTGAAACCATCCGCAGGGCTCTCAACTTGGGTGTGAATGTCAAGATGATTACTGGTGATCACAGGTGAT
ATTACCCCCTTTGGCCACGAAGTGAAC

>trans_s_11881NM_128886|Arabidopsis thaliana tryptophan/tyrosine permease family protein
(AT2G33260) mRNA, complete cds

AGACACATATGGCGTCTTAGTTATGCTTACCACTTTCCTTCTTACATCCACAAGTCATAAATCACCTCGGCAAA
GTTGCCTTCTGGTAAGTTTCCCCG

>trans_s_11882BT011599|Arabidopsis thaliana At1g74670 mRNA, complete cds

AACCCATTGTGTTCTCCACACCGCAACACAAGCCATGCATGTTCTTCTGCCAACCTGTAGTACTTCCTGTAGGT
GTGTGTAATGGACCGATGATACCTT

>trans_s_11883NM_001062302|Oryza sativa Japonica Group Os05g0462500 (Os05g0462500)
mRNA, complete cds

GATAGCGGCGCGCGACTCGACATTAGAACGTGTAACCCGCGGGAACGCGGTGCGACGCGGACCGCGCGTGG
AACCAACCGTGTCATCCTCCGTTCTCAGAG

>trans_s_11884Novel Gene

ACACCGCAACAAAAGCGTAAACGATGAAGGAGAATAAATATTCATACTTGGTGCTCAAAGTTTTATTGGTTCT
TGAGAAATTTTGGTTTGTACCTGCTT

>trans_s_11885EU017098|Passiflora biflora photosystem II protein N (psbN) gene, partial cds;
chloroplast

ACCATCTTTATATCTGGTTTACTTGTAAGTTTTTACTGGGTATGCCTTATATACTGCTTTTGGTACCAAAGAGAC
CACACTAAGAGATTTGCCGCTCCCC

>trans_s_11886NM_112356|Arabidopsis thaliana ATPPC3 (PHOSPHOENOLPYRUVATE CARBOXYLASE
3); phosphoenolpyruvate carboxylase (ATPPC3) mRNA, complete cds

CGAAGAGTGGATACTGCTTTGAAGAACATAGGAATTGATGAGCGTGTCCTTATAATGCTCCTCTTATTCAGTT
TTCATCCTGGATGGGTGGGGATCGAG

>trans_s_11887XM_002309477|Populus trichocarpa serine hydroxymethyltransferase 8 (SHMT8),
mRNA

GTTGAGAGTGATTGAGGCCATGTCAAGAATTTTCTCCACTCGCGCTCCATCGATACCCAATGGCCTGAGATCTA
CAAGAACTAGGTGATTGTCACTTCCC

>trans_s_11888AF204063|Oryza sativa MADS box protein MADS1 gene, promoter and complete cds

CGTCCCTGGGGGGAGGAGTCATCTTCCCCAACAAACCAAACCAAATTTCCAAATCACCCCTCCTATCACTAC
CAATTCCTCAAATCCAACCTGATCAAC

>trans_s_11889X56266|N.tabacum auxin-induced mRNA (pCNT107)

TCTGGTGAATTATAGAAGTACCAAAGGGCACACCAAATGATCCTTATCAGTGGAATGGATATGTGTGTTGTTG
ATTCTCTCCTTCTTAGGATGACGTTCT

>trans_s_11890CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

CTAAGTTCCAACCGGCGTCAATCCTTTCAGATTTTCATACATCCAAAGACGAAAAATCGGGTGATAAAAAACCG
CTGGATCGATGTTCCGGGATGGGGGGA

>trans_s_11891XM_002322118|Populus trichocarpa nucleobase ascorbate transporter, mRNA

CCGTAACCTCGGGGGGCTATCCAGGGTGCTCTCATTGTTGCTTCAACCCTTCAGATTGTCTTGGGCTTTAGTGG
TCTGTGGCGTAATGTTGCAAGGTTCC

>trans_s_11892Novel Gene

GTGTGAAACCTCCATCGGAGACATATTACCACCAGCTAATGCACATTGCTCACTCGAATCTTTGACTTCTGATC
CCACTTCAATTACTCTCTGGTACACC

>trans_s_11893BT006372|Arabidopsis thaliana At3g08610 gene, complete cds

GACGTTGCCATGGAACGCCGGGACAAGAACTCGTCGAGAATTTATCCGCCACTTCTCATAGTTGATTTTATTT
TCGACCTGTGCTTTAACGTGAAGAGC

>trans_s_11894DQ227307|Glycine max asparagine synthetase mRNA, complete cds

GAATTTTGTGGACATGCTTGATGGAATGTTCTCTTCGTGCTGTTGGACACGCGTGACAATAGTTTCGTTGTTG
CTCGTGATGCACGGTTGATATGAAAA

>trans_s_11895XM_002309477|Populus trichocarpa serine hydroxymethyltransferase 8 (SHMT8),
mRNA

GTTGAGAGTGATTGAGGCCATGTCAAGAATTTCTCCACTCGCGCTCCATCGATACCCAATGGCCTGAGATCTA
CAAGAACTAGGTGATTGTCACTTCCC

>trans_s_11896EF165002|Brassica juncea resistance-gene-interacting protein (rin) mRNA, partial
cds

AGATTGAACATTGTGAATTGTTGGAAGGGATATTTGAAGTGCAAGAGCCAATTAGTGTTGTTGAAGCGAGTC
CTATCGTGCTCCAAATCCCTAGGGAGAA

>trans_s_11897Novel Gene

GAGGGTCACCCTCCAAACCTTCCTGAAGTCGCAAAATCCCATTAATAATCTCCAAAGAACCCAGCAAGAGAATA
TCCCAAATTCTAAGCCAGCAAGAGGTC

>trans_s_11898XM_002874299|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L18 family protein, mRNA

GGGTATTAACCTGCAACAGCGGCTGTTTCAGAGTGGATCACCTGGGCACTCACAACTTGTTTGTGAAGTGCA
TCTTCAAGACATATGGCTTTAGATACT

>trans_s_11899XM_002864446|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata N-myristoyltransferase 1 (NMT1), mRNA

CAAGGATGACAATGAGTCGAACCATTAACCTTTATAAGTTACCAGATTCACCAGCTACCCCTGGATTTCGAAA
AATGGAACTTCGTGATGTCCCTGCACA

>trans_s_11900AF370583|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g12400; F24C20.8) mRNA, complete cds

ACTGGTCGGTTGACTCCAAGTCTCTACAACCAAATGACAGCAGCAGCAAACGTGAGTTATGGTTTGTATCGCT
ATGGTCCATGAGGTGTCGCACTTACAC

>trans_s_11901AJ011796|Prunus avium L. 26S rRNA gene

GTCCTATCTACTATCTAGCGAAACCACAGCGAAGGGAACGGGCTTGCAGAGCTGATAAAAAGGAGAGACCC
TGTTTCTAGGTCAGAGAGAGGCTCTCCC

>trans_s_11902Novel Gene

TTTAGCTTTTTGTCGAGAAACGTCGAAAGACTTTAGTGAGCGAGTTACATAGGTGTGCTTTGGTCATGTCTTGG
ATACGTAGATTTGTCTCGCGTGTGTG

>trans_s_11903NM_001072856|Oryza sativa Japonica Group Os12g0183100 (Os12g0183100) mRNA, complete cds

ACTTTCAGAGTTATTCAATGATGTCTATGATCATTTACCTAAAAACCTTCAAGAACAAGAAGAAGTACTAAGGC
AAACAAAAGGAGAGTGCTTTTTTCTA

>trans_s_11904EF571296|Glycyrrhiza uralensis 18S ribosomal RNA, partial sequence

TTCATAGTCAGAGGTGAAATTCTTGGATTTATGAAAAGACGAACAACTGCGAAAGCGCCCATTGGAAGCACCC
CTGCCGGCTGGAGGTAGGGGTTGGGGG

>trans_s_11905Novel Gene

CGGGGAATGAAACCTATTTATCTAATGCAAGAGCGGAAACCTATACCGCCTCAATGAACAAGGGCAGTCGCTT
CTTTGATGAATGAAATTGAGACGGGTC

>trans_s_11906AF030382|Cucumis melo ADP-glucose pyrophosphorylase small subunit (msf1) mRNA, complete cds

CGTCGTCGTCGTCTTCATCGTCCAATGGTGGTCCAACCGTGCTAGGAGAACTAGCCTTCGAAGCCTCTCATTT
GGTGCGTCTCAAATTTCTGGTGATAA

>trans_s_11907GU814015|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-2290 NIC7m (NIC7m), SPS1m (SPS1m), SPP1Cm (SPP1Cm), EIF5Bbm (EIF5Bbm), PTC1m (PTC1m), 182394m (182394m), 97782m (97782m), RFC4m (RFC4m), 182392m (182392m), ALB3m (ALB3m), PSF2m (PSF2m), 182390m (182390m), 182389m (182389m), 294687m (294687m), HDH1m (HDH1m), TOC34m (TOC34m), 522875m (522875m), LPS1m (LPS1m), PDK1m (PDK1m), CGL70m (CGL70m), NMDA1m (NMDA1m), DRG1m (DRG1m), OTU2m (OTU2m), 155027m (155027m), MTP0618m (MTP0618m), PR46bm (PR46bm), PR46am (PR46am), GCSHm (GCSHm), UBCH1m (UBCH1m), MADS2m (MADS2m), PKY1m (PKY1m), MIDm (MIDm), DLA3m (DLA3m), 522872m (522872m), MTD1m (MTD1m), LEU1Sm (LEU1Sm), SPL2m (SPL2m), HGRP1m (HGRP1m), UTP1m (UTP1m), MTP0796m (MTP0796m), and MT0828m (MT0828m) genes, complete cds

ACTTTCAACTTTGGTTGCGGACACAGAAGTTGGGTGTTCAACAACGCCTGGGACCAACTCTCTTTCTTCTCCAA
CAACATCAGGTCCCTGAGAACCCACT

>trans_s_11908NM_111093|Arabidopsis thaliana BIG (BIG); binding / ubiquitin-protein ligase/ zinc ion binding (BIG) mRNA, complete cds

GTCACCTAAGTGCATACTTCAGGGACAAATAATCGCCTTTTTGTGTTCTGGGATCTTGGCACTGTACCTTTGAAC
ACCTGAGACACCTTGACTGCCTTCT

>trans_s_11909Novel Gene

TTATCCACCAAGCTGGAATAACAAGCTTTGGACTGAACTATTACACTGTTATGGTCTTTGAACTCTCAAATTAA
CAGTTCTTACAGGTGCAATCTTCAAT

>trans_s_11910AB041520|Nicotiana tabacum mRNA for WRKY transcription factor NtEIG-D48,
complete cds

AGGATAGTCACAAGAGGTTTTTGTGGTCTTCTCTCTAAAAAGAAAAATAGATAAAGATTGAAGCTCGGGG
AGGGCGGGAACGAATCTCCCATCCTTC

>trans_s_11911XM_002881757|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S2, mRNA

GGATGTTTTCACTTCCGAAAGGGGATCCACAAAGACACTTGGAACCTTTGTGAAGGCTACCTTTGATTGTCTAT
GTCCCCAAGCGTTGGGAAGTGTGTTT

>trans_s_11912EU104741|Nicotiana attenuata NADPH oxidase mRNA, complete cds

CCAGCAGTACACGAGCGTGACGAGAAAGGTGACGCTAGGTCTGCGTTAATAACAATGCTTCAATCACTACAC
CATGCCAAGTTACCTCACCTACACCAT

>trans_s_11913AY104980|Zea mays PCO111857 mRNA sequence

CCGGCGAGGTTTCCTCTGTTAAGGTTATATGCAATAAGCAAACCTGGTCAATCGGAGGGCTATGGTTTTGTTGA
GTTCTTCTCGCATACAACAGCCGAGCC

>trans_s_11914AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

ACCGAGTTTTTCTCTCTCTCCACCATGGCTCAGGTTCCACCTCAACCTCAAGTTCCTAACTCCGGCGCCGATCCG
GCTGCCCCATTCTTATACCTCGTCG

>trans_s_11915NM_001186988|Oryza sativa Japonica Group Os04g0401750 (Os04g0401750)
mRNA, complete cds

CGACACACTCACACCCACAGGGGACCCTGATGATGATGAACATAAATGACTGCCTTGCCGAGGAAACCCCCG
GAAGGGGCCCCGAGCTTGTCAGTTGAGT

>trans_s_11916NM_001070128|Oryza sativa Japonica Group Os09g0503400 (Os09g0503400)
mRNA, complete cds

AACAATTTCTAGTTGAGTCATTATCTGATTCCACCATTTACATGGCTTACTACACCATAGCACATTTGTTGCAGA
ATGGGGACTTGTATGGATCGGGTGA

>trans_s_11917NM_100503|Arabidopsis thaliana MEE5 (MATERNAL EFFECT EMBRYO ARREST 5);
GTP binding / GTPase/ translation elongation factor/ translation factor, nucleic acid > (MEE5) mRNA,
complete cds

ACACCCCTGGCCATACCAATTTTTCTGATGAAATGACTGCTGCTCTTAGACTTGCTGATGGTGCAGTGTTGATC
GTAGACACTGCTGAAGGAGTTATGGT

>trans_s_11918FJ467294|Lilium longiflorum CULLIN1-like protein 1 mRNA, complete cds

AAGACTATTGACTTGGAACAGGGATGGGAGTTTATGCAGAAGGGTATCACAAAGTTGAAGAACATTCTTGAG
GGCTTGCTGAGCCCCAGTTCAGAGAAT

>trans_s_11919EF121545|Solanum lycopersicum auxin response factor mRNA, partial cds

GGAAAATCTTCTCGGCTGCACGACGAGGCACAGAAAATCCACCATGAGTGCTAGTGCTACTGGCTGTTAGAG
TTTTGCAGAAGAATTCTGCAGGCTGCCT

>trans_s_11920Novel Gene

CTAGTACGAGAGGACTGGATTGGGCCAACCTATGGTGTAATTGGTGGCGTAACCGCTACTATAATTTACTAG
CCTGGTTGCGTTCCTCCAATAGTATAA

>trans_s_11921NM_001064260|Oryza sativa Japonica Group Os06g0507300 (Os06g0507300)
mRNA, complete cds

GAAGAGGACGCTCCTCTAACAAGCTTTCTCCACCTTCACCCGACTTTTCTACCCTAAGGACAACCCTCGCCCT
CGTTAGACAAAGAAGGAGCGAAAGG

>trans_s_11922NM_128074|Arabidopsis thaliana PKL (PICKLE); ATPase/ DNA binding / DNA helicase
(PKL) mRNA, complete cds

GTCATAGAGTTCTCATATACACACAGTTTCAACACATGTTGGACTTGCTGGAAGATTATTGCAGTTACAAGAAA
TGGCAGTATGAAAGGATTGATGGCAA

>trans_s_11923Novel Gene

GATCTAGACCCATATCATTGATTGCATAACCACAGCCAGTGAGAGTATTAACGTTACATGGAGATTATTGCTA
GTAAATCATTCAGAATTATTGGTACAT

>trans_s_11924HQ448772|Voyriella parviflora voucher Maas et al. 9678 (U) 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGAGGATCCCTCCGCAGCTAGCTTCTTAGAGGGACTACTTAAGAAATCTAATAGGAAGAAACTCCGTTCCGGT
GAACTCACAGCATTTCCGAGCACCTCA

>trans_s_11925NM_119050|Arabidopsis thaliana emb2726 (embryo defective 2726); RNA binding / translation elongation factor (emb2726) mRNA, complete cds

TTCTTCCTTCAGCAGCAAGACGGCTAGATTCTTATCTGCACTTGAAAGCCCTTTCTTTCTTAGATACTCTTG
CCTTCTCTAAATCCCCACCAGTTTC

>trans_s_11926AF143281|Vitis vinifera microsatellite ssrVvUCH33 sequence

CAAATCCAGCGGTAGTCTCAAGGGCGGTCAAGCCTCCCCATGTTCCACGGGCAGGAAGAAGCGTGGCTG
TGCTTTTGATAATCCCGAACCTCTTCG

>trans_s_11927XM_002981482|Selaginella moellendorffii family 2 glycosyltransferase (CESA1-2), mRNA

GCAATGAATGTGCATTTCCCGTTTGTGTCGTCGTTATGAGTATGAGAGGAAAGATGGGAACCAGGAGGTGA
AGACTGTACCTCACGAGATGGGTCTTGT

>trans_s_11928BT008375|Arabidopsis thaliana At4g00570 gene, complete cds

AGTGCAAAAGACAAAGGAGAAATGATGTCCATGATTTATAATTGGCCAGGACAGCAGTTGACATGATTGTC
TTGTGTCTACCTTCAGCATAAGAACAAC

>trans_s_11929XM_002331651|Populus trichocarpa SET domain protein (SDG912), mRNA

CATCCTTCAGAAATGCAGTCTGTTATTTCTTCTCAAGGTCCAGTCTGTCCAGTGAGCCCCTGCATGTCCCTCTAC
CGTGGTTCGACCTGGTAGTCAGCGG

>trans_s_11930EU346697|Casuarina glauca tau glutathione S-transferase mRNA, complete cds

CATAGATAATGAGTTGGGGCAAGAGATGCTTACAAAATGAGAGTGTCTTAAGTCCCTACCTGACCCCAACCC
TGTTTGTGAAACCACACCCTGTTACCC

>trans_s_11931NM_001055612|Oryza sativa Japonica Group Os03g0166800 (Os03g0166800) mRNA, complete cds

GTCCGGTCTTTTACAGTGCTCTCTTACAACATTCTTGCTGATGTGTACGCAACAAGTGAATCATACAGCTATT
GTCCTTCATGGGCTCTTCTCTGGCCA

>trans_s_11932EU057711|Solanum tuberosum ferritin mRNA, complete cds

ACTGGACTGTGACTAGCCGGAGCTCTCTCAGTCTCCGCCGACGTTTCATCATTGTTTTCTCAGCCTTCAGCATC
GGTGTGTTGACTGATTGTCAACGGTGG

>trans_s_11933NM_102109|Arabidopsis thaliana ATSAC1 (suppressor of actin 1); phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 5-phosphatase (ATSAC1) mRNA, complete cds

AGATCACTCACGAGTTGAGCAAGAGCATCCCCATGCTCTGATACATATCCATAAGGGCTGCAGCAATGCTAC
TATCAGGATCCACTTTAGGCATATTTG

>trans_s_11934XM_002883109|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

ACTCATGTCCCAAACAATGACGAGTGTATCCATTCCACCGGACACAATTCCCCCTCCGAAACTCCTCATCTG
GCGAAATCCAAGCCAAAGGACCCACA

>trans_s_11935Novel Gene

AACGCATTTGAGGTGGATCCACAAGCACCCCTCAAGATTTTCATCAGATCAGAGTCTTTAATAGAATGGCTTCT
GCTACTGGTCTTGTAGTTGGATCTCA

>trans_s_11936NM_001069762|Oryza sativa Japonica Group Os09g0426800 (Os09g0426800)
mRNA, complete cds

CCATGAAGGCCCGCATCGCATGGCAGCGAGGTCGCCGTAGGTGCAATCTTCTGAAAGCTAAGATGGGAGG
GACTACAAATTGATGGAAATGAGTTCCA

>trans_s_11937XM_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

TTTTCTTGCGGGTCATGGCGAGCGAGGAGGTTTCATAGATGCATCTGTGCATAGGATCGTCGATTAAATCTC
GGAAAGGGTTATAATTTGGGTCAGCCG

>trans_s_11938NM_119048|Arabidopsis thaliana RPT2a (regulatory particle AAA-ATPase 2a);
ATPase (RPT2a) mRNA, complete cds

CGCAGGAGGAGAAGGCGGAGGAGGATCGCTCTAAGGTCGATGATCTGAGAGGATCTCCATGAGTGTTGGG
AATTTGGAGGAGTTGATTGATGAGAATCA

>trans_s_11939AY018458|Oryza sativa microsatellite MRG0783 containing (AT)X16, closest to
marker RM178, genomic sequence

AGTGTAATAGTAGTAGATTTGAGGAAACAAAACGTTCTCTCCATGATGCAGCACATATATCTTAACTTCTGC
TTGCTGTGCCATCCATAGCATTACCA

>trans_s_11940Novel Gene

CTCTCGCACTACTACGTCTGACTATGGTCGGTCACTACCACATCTGCCTTCATCTCGTCCACCTCAACAACATGA
TTTCCTTGCTGAACAGAATTGGGAT

>trans_s_11941XM_002882989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

GAGATAAATCTGGATGGACAGCTCTTCACTGGGCAGCTTATTATGGAAGGGAGAGAATGGTTGCCGTTCTTTT
ATCAGCGGGGGCAAAGCCAAACCCAAC

>trans_s_11942AY766367|Triticum aestivum PDR-like ABC transporter gene, partial sequence

TTGTACAGGCACCTAACTCAGTCGGGATTTGACGTTTCATGGGTGTCTACGGCAGCTCGGGTGGGAAGCTTCG
AGACCACTGACAGGCTTGTTCCCTGCGT

>trans_s_11943NM_001057743|Oryza sativa Japonica Group Os03g0738100 (Os03g0738100)
mRNA, complete cds

CTGCAAATGTCACTCTCAGCCAGAGTGAGAAAGACAAGATAAATGCTGCCAAGTACTCAGCCATGATGGCTCC
CATTGTGGTGGCTTTGGAGCGTCGCGG

>trans_s_11944NM_106143|Arabidopsis thaliana PTAC2 (PLASTID TRANSCRIPTIONALLY ACTIVE2)
(PTAC2) mRNA, complete cds

GGTGTCTGTGGCACAGCACGTCCATATGCTTCAATCAGTCCAGTATATGCTTTAGAACTTGAACAATTCCTT
TCTCATTCATGTGAAGCGGGATTTTC

>trans_s_11945X66012|T.aestivum mRNA 1 for cathepsin B (2529)

AAGCAATCGTCCTGGAGCGGAGGAGAAGGTGAAATGAGTGTGGGATTGAGGAAGATGTTGTTGCTGGTTTG
CCCTCAACAAGAAATATTGCCAAAAGAAT

>trans_s_11946NM_001072062|Oryza sativa Japonica Group Os11g0104900 (Os11g0104900)
mRNA, partial cds

GAAGATTTCAATAAAGGTTTGATTCTCTCTGTCCGTTCTTGCTTCCTGTGGAGCCCCTAGTGGATGAATGTGA
ACCTCTCCCGATCGGTATTGGCAGGC

>trans_s_11947Novel Gene

AGAAGAGATGCGGGTCTCCGGACTCGTTCCAGAAGAAAATGACGGTCTGGCAGTCTTGTAGTGAAGGTGC
GCTTAAAGTCTTATATAACGCATGCCGA

>trans_s_11948X73635|L.esculentum vsf-1 mRNA

GAAGATGGGTGATGCTTTACCTCCTCGTAAAGCCCATAGGCGGTCTAACAGTGATATTCCATTTGGATTATCTT
CGATGATTCAGTCACCTCCTGTTCTC

>trans_s_11949Novel Gene

CCACAAATGTCATATAACCCCTATTGTTGGACATGCAGCAGGTCAGAGTTATTGCGTCAGTATTATTTGATTTTT
CTTGTTTTGTTTACATATTAACG

>trans_s_11950NM_001125918|Arabidopsis thaliana binding (AT5G47690) mRNA, complete cds

AACTACAGCTTATCCGGAATACATATTACCATACTTGGTTCATGCTCTTGCTCATTCATCATGTCCAGATGTTGA
TGAATGCAAGGATGTCAAGGCATAT

>trans_s_11951AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

TGGTCTGTCGAGGTTAGTCGGTGTGCTCCCAACATCAATGGTTATCAGCCTCCTGGTGCTGACCGGTTCTGGAC
CTCCACTTAGTTTCACCCAAGCTTCAT

>trans_s_11952XM_002864978|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transferase family protein, mRNA

TTGAGGACAGCCCAGCCGTCTTTTCAAATGGACAATAAGATTACTGTGGAAATTATATTGAGGGTTTAACTTA
GAATATGTGGTGATGCTTCTTCCATG

>trans_s_11953GQ998490|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 RNA polymerase beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TAAACGGATTCGTTCTGTTGCGGATCTCTACAAGATCAATTCGGATTGGCTCTAGTTCGTTTAGAAAGCGCCC
AATCTCCTTGATAAACACCTCGTTCC

>trans_s_11954Novel Gene

GAAAGCCTATCCTTTGGACTTCTCCTACTACTATCAAGTTAGAAAGAGAAAGCCTAGCCGTCCTAAGCGCCTAT
CTTGAGCTAGTTCGTAAGGAATCGAA

>trans_s_11955EF587461|Chlamydomonas moewusii strain UTEX 97 photosystem I P700
apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

AGGGGGCCCCTCCACGCCCTAACTGCTAAACCCACCTCGTGAACCCGCCTCCACGAAATGCCCAGACTGATAA
ACTATTCATACCAAAGGATTATATCC

>trans_s_11956EU600086|Pueraria montana var. lobata 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGGCTGCATGCAGTTCGGTGACGCAGCTAACGCATTAAGCAATCCGCCTGGGGAGTACGGTCGCAAGACTA
AAACTCAAATGAATTGACGGGGGCCCCGC

>trans_s_11957NM_001058998|Oryza sativa Japonica Group Os04g0321600 (Os04g0321600)
mRNA, complete cds

ACAAGGAAAGGTGTTTCTATAAGTTCAACCAAGCAGGTTGAGGTTGGGACAATAAAGGCAGAAGATTTATAA
GGAACGCCGTGAAATCCAAGCTCTCTCA

>trans_s_11958NM_001064963|Oryza sativa Japonica Group Os06g0692700 (Os06g0692700)
mRNA, complete cds

AGATCTATATCTCTGAGGCTGGACATCAACGAGTGACAAGGCTGTCTCCTACCAGTTCGGATGAAACCAAAT
CAAAACGTAGAAGGAGATCACTCTCTC

>trans_s_11959NM_001074149|Oryza sativa Japonica Group Os11g0248200 (Os11g0248200)
mRNA, partial cds

AGCTGGCGGAGAAGGCTGTTGCAGAACTAAATGATGAAGGGAATTGGAGAAATGCGCTTAGGCTTCGTTTGA
TGCTTTCATGCTCGTCAAACGAGTGAGG

>trans_s_11960Novel Gene

AGGTGCTGAATAGAAAACATGGGGAATCAAACCGGAAGGCCAAAGGGACATGAGTGGGTAAGATGAGATG
ATCTCTTGCCGTGCCCCCGACCTATGAGAA

>trans_s_11961XM_002306638|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS50),
mRNA

TTTATTCTGTCTTGAATCTCTTGGGAGTGTTGCATCGAGAGAATCGTAAACAGCTGCATAGTAGTTATAAGC
TTCAACGAATCTTGAGAAGAATGGGG

>trans_s_11962tpg|BK000906.1|TPA_inf: Oryza sativa transposon Rim2-M302, complete sequence

CGATGAGTAGGAGGGCGCGGCGGTATAGTACCCCAAAACCCGCACTAAAATACAACGAGAGTGCCGCTTGTA
ATGCCTCTTTTTCCCCGGAAGTTGTCGG

>trans_s_11963DQ493649|Zea mays cultivar Coroico bz locus region

GATTGTACACTATCTTGTCTTGCTTGTCATAGTATAGCCTGTGCAGTAATGCCTTCTGTTGTCTTAATGTTATTG
TGGTTTGAGCGTGTAATATTGTACT

>trans_s_11964XM_002867928|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcriptional repressor, mRNA

AGCTCGTACTGTTACAGATGCCCCACCTTTTGACCCTACGAATATTGTGTCACTGCAGCTCATGTTTAGCAAGT
TTGACATACTACCCTTTGAGTTGGGT

>trans_s_11965NM_001048392|Oryza sativa Japonica Group Os01g0118000 (Os01g0118000)
mRNA, complete cds

GAAGTAATTTTTAAGAGATCACCAGTGGGAGTGTGCAAGATCGGCAGCAAAAGCACCAACGCGTGAGAAGT
GGACTCTCAGTCTCCCAGGCGGCCCGGCC

>trans_s_11966DQ015734|Chlamydomonas uva-maris strain SAG 19.89 26S ribosomal RNA gene,
partial sequence

AGTAACACGAATTTACGTAGGGTCCCCATTAGTTATCTAAATGCTAGTTTAAGTTTTACATTTGATTCTCAGAG
CCAATCCTTTTCCCGAGGTTACGGA

>trans_s_11967XM_002876696|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata abc transporter family protein,
mRNA

GGGGCTATGGTTCCGAGCACGGAAGCAGCAATGGCAGTGGGACCCTCACTCATGACAGTTTTTATTGTATTG
GTGGCTATTATGTCAATGCAGACAACA

>trans_s_11968AY056819|Flaveria brownii NADP-dependent malic enzyme mRNA, partial cds

GATAACTACAAAAGGAATAAAACCTATGGTCAGCTAAGGATCCGCCAACCAACCTTTGGAGCTGAAATGAGC
CCAGCAAGTACCACCGAAGCTGTCCCCT

>trans_s_11969NM_001051137|Oryza sativa Japonica Group Os01g0813900 (Os01g0813900)
mRNA, complete cds

AGAGGACACTTATGAAACCAGGAGAGCAGATACATATCAAGGAGGTTCTAGAAGCCCACCATATGAAGACCG
TCGTTACAATAGGGAACCTGACTTCAAA

>trans_s_11970AJ550021|Raphanus sativus D81Rfo (restorer-of-fertility) genomic region

TATGTAGCAGCCTCTTTCATATCTCTTCCTCCCTCTATAAATATCAAACCAAAGCCTTCATTTACTCGAACAAATC
GGTTCCTTCATTGCTCTTCTTGGC

>trans_s_11971CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

CTAAGTTCCAACCGGCGTCAATCCTTTCAGATTTTCATACATCCAAAGACGAAAAATCGGGTGATAAAAAACCG
CTGGATCGATGTTCCGGGATGGGGGGA

>trans_s_11972AJ843991|Plantago major partial mRNA for aquaporin 1 (aqp1 gene)

AGAGCACCAAATAGTGGTTGCTGGATTGGTGGAATTTTCACCCGCACCTCTGGTTGCTTCTTGTGTCCTGAAG
TCTGTTGAGCTCCACTGCGTTCCTCT

>trans_s_11973DQ629429|Thelypteris navarrensii 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TATCCATGTAGTAAGGTACTATCAAATAAACGATAACTGATTTAATGAGCCATTCGCAGTTTCACCGTATAGTT
GCTTATACTTAGACATGCATGGCTTA

>trans_s_11974AY081704|Arabidopsis thaliana At1g68990/T6L1_17 mRNA, complete cds

CCAGAGGACGGACGAGGAGGTTATGGCGCTTTACGATCAGTGGCGTGCCAACCACGGGAAGCTCCACAACA
CAGGTGGAGTGTCTAGACTTGGCTACCT

>trans_s_11975XM_002879055|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SIT4 phosphatase-associated family
protein, mRNA

CTGCCAACTTTCTAGTCCCAGTTTTGTTGCAAGGATATTTGATCATGCTTTGGAAGATTCGCATTCTAAGTCTG
GCCTTGTCACCTCACTTTCTGTATG

>trans_s_11976XM_002892722|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CYP78A5, mRNA

TCTCTGCTCTCGCCAATCGATTTAAAGCGTACCCTTTAATGGCTTTCTCTGTTGGCTTAACTCGGTTTGTGATTTT
TAGTCATCCCACACCATCGGGAG

>trans_s_11977NM_123881|Arabidopsis thaliana RHA1 (RAB HOMOLOG 1); GTP binding (RHA1)
mRNA, complete cds

AATGATGCCACTGTGCCATTTGAAATCTGGGATACAGCTGGGCAGGAGAGATACCACAGTTTGGCTCCAATGT
ATTACAGGGTGTACACTGCAGCTGCAT

>trans_s_11978NM_001071053|Oryza sativa Japonica Group Os10g0393100 (Os10g0393100)
mRNA, complete cds

CTAGAGACCCAGCCTGGCCCGTTCCGAGAGCGATGAAGTAGGAGTAGGCCCTCCGCCCCGCGTCCCCTTCATA
CACCTTAAAGTTGTTTCATAAGATAGGA

>trans_s_11979AF532623|Glycine max RING-H2 finger protein mRNA, complete cds

CAATAACCTCAACAGACTGTAGTATATGTCTAGAGAGTTTCACAGATGGAGATAAGCTCATCCATTTACCTTGT
GAGCACAAATTTACCATGCTTGCTT

>trans_s_11980XM_001690275|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GGTTGGTTCTGCGACACTTCTTTCAGCGCCATCCGAATTTGCGGGTCTGGCATCCTTGTGTTAATTCTACACG
CGGTGTGGGGAGTTCGGTGTAGGAGG

>trans_s_11981DQ400357|Cichorium intybus sucrose synthase (SUS4) mRNA, complete cds

ACCAGTTAGCACTCCGATATGACTTCCACCACCCTCGGTTCCACTCCGACTCCTAGTGGGCTGATCACCGTTGG
TCTGTGCCAGGCGGCAGTTTGATTCC

>trans_s_11982NM_102514|Arabidopsis thaliana kinesin light chain-related (AT1G27500) mRNA,
complete cds

CCCTAGTTCTGTTTGTATGTGAAACAAAAGGAGATCATGAAGCTGCGCTTGAGCATCTAGTTTTAGCCAGCAT
GGCCATGGCGATGGGCAAAATTCTCT

>trans_s_11983Novel Gene

TATGTTAGAGATAATAGGAGGACCTTTTGTGTTTTGTATCTCTTAGACTTACAGTTTGGTTTTTTCAGAGTTGTC
AACCTCAGTTGGGTGGCAACCCCA

>trans_s_11984FJ908422|Potamophila parviflora bio-material IRGC:85424 ribosomal protein S16
(rps16) gene, exon 2 and partial cds; chloroplast

TTTGATTGAAGGGAGCTCTATAAATAGTACATGATGGAGCTCGAGTAGAAAGATAACTAAGTCCCGCTGGA
AATGAGAGCTCGAAACCGACACTGGCTG

>trans_s_11985AF229795|Vigna radiata beta galactosidase mRNA, complete cds

GTACGTTTCATAAAGACGGCGCAGAGAGTGGGTCTTTATATTCATCTCCGTATAGGACCTTATGTTTGTGCAG
AGTGGAACCAACCTAAAGGGCAAA

>trans_s_11986AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

AGCTCTCACGCTCAATCATTGCAATTATTTCTGAGAAATCCCATATATCTTTTTGAATGTAATGAGCCTATCCT
CTTTTCTCTATTCATATTCCACAAA

>trans_s_11987DQ911149|Cucumis sativus S-adenosylmethionine synthase-like (SAMS) mRNA,
complete sequence

TCCTCGTTGAGGAGAGTCGAGGTACTTCTCGGGGATGACTGGCTTGATGACATGCTCTTTGAGGTCTGTGGCG
ATTCGTCATTAGAGGGATGTGTAGCC

>trans_s_11988EF643636|Pyrus x bretschneideri isolate jinhua S18-RNase gene, complete cds

TCTTCCACAAATATCCAACCTTTATGCATGTCATAGTGTTTAACTTTGTTACTGTGTTTGTACTTCCAGGGTTGT
GGTGGATTAAAAACAAAAGAGCTT

>trans_s_11989AF402604|Phaseolus vulgaris homeodomain leucine zipper protein HDZ1 mRNA,
partial cds

AGAGATTATGGCCTCCTCAAAGCCAATTATGAATCTCTCAAGCGTAGTTTCGATACCCTTCAACAGGATAATGA
TGCTCTGCTCGTTCTCTAGTTCCTTA

>trans_s_11990EU846599|Reaumuria soongarica mitogen-activated protein kinase 2 (MPK2) mRNA,
complete cds

TCTGTAGGATGCATCTTTGCCGAGCTTCTCGGTAGGAAACCTATCTCCCTGGTACAGAATGTTTGAATCAACT
CAAATTGATAATTAACCATGACAACG

>trans_s_11991XM_002889869|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NRT1.1, mRNA

CAAAGCTACCACAACTACATCCACCTCCTTGCCATCCTATTGGCAGCAAGAACTGCAAGCAAGCAAATGGGTT
TCAAATGGGAATGATTTATTTGCCTCT

>trans_s_11992AY104927|Zea mays PCO113544 mRNA sequence

AAAGATGAGAACTTTGGAGAGTGGTATTCTGAGGTGGTTGTCAGTGGAGAAATGATCGAGTATTATGATATC
TCTGGCTGCTATATACTATCCGGCACCC

>trans_s_11993Novel Gene

GCTGCAGCAAGTTCCTTTTGAATATCAGAGACTTGTGCTTCCAGTGTTTTTATAGCAGATTCAGCAGATTCCTTT
TGGTTAATTTCTTCTGAAGCTTCA

>trans_s_11994AM779938|Phaseolus vulgaris mRNA for asparagine synthetase type III (as3 gene)

ACGGTTAGCTATTGTAGACCCCACTTCCGGGGATCAACCCCTTTATAACGAAGACAAGACCGTTGTTGTTACG
GTTAATGGAGAGATTTACAACCACAAG

>trans_s_11995FJ910353|Zea mays subsp. mays Mu transposon insertion Mu1008184 flanking
sequence

ATAGTCATGGCTGTGGAGAGCCCTGGAGGAGTTCTATCCGAAGAGCTTGGAGCAAGGCTTTCAGGCAAGTCC
TCGCTGTTCCGGGGGGATGTCAGGTAGCC

>trans_s_11996NM_001058998|Oryza sativa Japonica Group Os04g0321600 (Os04g0321600)
mRNA, complete cds

ACAAGGAAAGGTGTTTCTATAAGTTCAACCAAGCAGGTTGAGGTTGGGACAATAAAGGCAGAAGATTTATAA
GGAACGCCGTGAAATCCAAGCTCTCTCA

>trans_s_11997NM_001056122|Oryza sativa Japonica Group Os03g0254700 (Os03g0254700)
mRNA, complete cds

GGTGTATTCCATATGTCCTCATCACAAGGAGAACATTCAATTCATATTTCAACAGCTCTTGATGGAAAGATAA
AGGCATGGCTATATGATAATATAGGC

>trans_s_11998BT012526|Arabidopsis thaliana At1g15800 gene, complete cds

CTTAGTTGGGTCAGTCTAAAGAAGTTTCAATAGACAATAAAAAATGCTAAAGAAGATGGTAGGGAAATTGTA
AATACCTTGGAGATGATGATATGGAGTA

>trans_s_11999CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

CCCTAGCCTCCGCTCTTAGGACGGGGATCAAGAGAGGTCAAACCCAAAAGAGATCGCGCGGATGCCCTGCCT
GGGGTTGAAGTGCTAAATGATTAGTCCG

>trans_s_12000AY109452|Zea mays CL2657_1 mRNA sequence

CGCACTGAGACTGGGGCACAGGTCCGCATTCTTAAGGACGATCATTTACCACGTTGTGCTTTGAGTTCTGATG
AACTTGTGCAAATATCTGTGTACCTC

>trans_s_12001NM_122042|Arabidopsis thaliana TIP1 (TIP GROWTH DEFECTIVE 1); S-acyltransferase/ acyl binding (TIP1) mRNA, complete cds

CGGAAACCATCATGTTGGTGCTATATCCTTTCTCATTGTTGATTTTTCTCTTCTTTGGTGTGGCAGTCTTAACG
ATTGTCCAAGCATCTCAGATATCT

>trans_s_12002XM_002881714|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata amino acid transporter family protein, mRNA

TCTGGTCATACTCTATTCCCTAATCTTTACCATTCTATGGCTGATAAAACCAAGTTCATAAGGCTCTTTTAATAT
GCTTTGTATTTTGTGTATTAATAT

>trans_s_12003XM_002869519|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cop1-interacting protein 7 (CIP7), mRNA

TGGGGATTCCATCAAACAGCAGGTAGAGGAAGCAGTTGGGACATTGGAGAAAAGACATAAATCAACTGGTC
GACACCAACCTCCCACTCACAAACGCAAA

>trans_s_12004XM_001699893|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ATTTATTGGGGAGCAGCTACTGGGGCCAGCGCCAAGACTAGAGCGGGCGATTGAGTCCACCTCGCATCAGGC
GGGTCGGCCCCGGACCCAGGGTACACCG

>trans_s_12005GU999998|Medicago sativa geranylgeranyl-diphosphate synthase (GGPPS) mRNA, complete cds

ATATCGTCTACAAGGCTATGATCATCTAGTGGCTTCCATCACACACTACTTCATGCTCATCAACAACGTCCATC
TTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGAT

>trans_s_12006HM118679|Musa mannii DUF89 family protein gene, partial cds

ACGGAATCGAGAGCTCCAAGAAGATCTAAGGGCATATATATCTACAAAAGTAGAACTAATATCTTATGGAGGA
GGAAGAACAGAACGAGGTACTTCACAA

>trans_s_12007NM_001049928|Oryza sativa Japonica Group Os01g0577600 (Os01g0577600) mRNA, complete cds

ATGCTAAAAGTCAGTGCTGCTTTAGGATACCTCCCTCCCGAGTACACGACAACGGGTGATTACCGAGAAGA
GCGATATCTACGCATTTGAGGCAGCCA

>trans_s_12008Novel Gene

CAAACTCTCTGGACCTTGTTCTGTCAGTTGCGATAAAAGTAGTAGCGATCGTTTATAATATAATCACATCACC
GGCCCGCCGGCAGAAGGGACGAGCCG

>trans_s_12009AY365248|Cucumis sativus 60S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

GCAAAACAACCTGAGTTGGTGTCTTCATCCAAGGATTTTATTCGAGTTCTGCTATTTATTATTTAAGTTTCTTT
GTTTTGAGCTCAGGGGGGGGGGGG

>trans_s_12010U92504|Brassica rapa PSI-H subunit (psaH) mRNA, complete cds

GCGAGGCTACCACACAGCACCAGCCTTGAAGTTTTTGGTCTGAAGCTCTGGCGAGATGGTCTGAGAGGGAG
CTTGGCTCCGGCAAGGGAGCTTCCACCA

>trans_s_12011XM_002870132|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding transcription
activator 5, mRNA

AAGCAAAGATCTGATAGAATTGAATTATCCTCCCCAGAAGCTGAGGCACGTAGTATTATTGCAGCCATGAAAA
TTCAACATGCCTACCGCACGGGGTCTC

>trans_s_12012FJ046746|Pinus taeda isolate 5453 anonymous locus 0_11529_01 genomic
sequence

ATTCAGTACTCTGGTTAGTCTCGTCATAAGGTAAACAACCTGTTAATTCGTAAATGTTGTGGACCCTGAAGACAT
AGGGAACAGTGAAGCTTCAGAGGGTC

>trans_s_12013Novel Gene

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTGAATCAGACCTTCTTTGTTTTCCAGCAAATTCAAATCTCACACTCCATT
GTTGTTTTTGGGATCTGCAGGTTTT

>trans_s_12014EU165708|Eucalyptus grandis cellulose synthase (CesA1) mRNA, complete cds

AATGAATGCTCTTGTTGAGTATCTGCTGTTCTTACCAATGGCCCATCTTGTTGAATCTTGACTGTGATCACTA
CATAACAACACACCTGCATTGAGG

>trans_s_12015Novel Gene

AATTTGAATTAGGAATTCCGCGGACAATACAAGCGGTTATTAATACTATATACATTTGATGGTATGTAATGTTG
CATAACGGCACCCGGTGATACCACT

>trans_s_12016Novel Gene

TTCTCCTCTCTAAAAAACAATATGTCGTCTATTCTCCCTCAATCAAATATGAATACTACGGCTGGAGTT
TTATGAAAAAAGCCAAAAATATCGA

>trans_s_12017NM_124486|Arabidopsis thaliana ERD1 (EARLY RESPONSIVE TO DEHYDRATION 1);
ATP binding / ATPase/ nucleoside-triphosphatase/ nucleotide binding / protein binding (ERD1)
mRNA, complete cds

CGCACCGGACATGAGTAGTCCAATATCCAAGGACATTACCTGTTTGTTCACAGTACGAATGGGGCATCTGCC
TGAGCAATATCAAGTCTACCGGTCTGT

>trans_s_12018NM_100436|Arabidopsis thaliana CALS1 (CALLOSE SYNTHASE 1); 1,3-beta-glucan
synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CALS1) mRNA, complete cds

AGGGTCCGGTGACTTATTCCCTATTAAGTGGGTCAATCCAGTTAGGTACAAGCAATAAGTCCATCTCCCTGTTA
TTTATTAGATCCTCCTCCCTGAAACT

>trans_s_12019AY107434|Zea mays PCO110680 mRNA sequence

CGAAAGAGCCTACCGATTGATGCCCCGTTTACAACGATGTCCTAGTCGCGATCTTTCGGTTTCGGGCATACACC
GTTTTTCATGGCAGGATCAACCAGGTA

>trans_s_12020DQ854729|Nicotiana tabacum chloroplast post-illumination chlorophyll
fluorescence increase protein mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AATCAGGGTCTAGCTGAAGAGTTGAGCGGAGAAGGTGCGTGTGACAGAGCGATATTTCCAGATACGAGCATT
GTTATAACAAGATGTGCAGAGCGGTTAC

>trans_s_12021XM_002885346|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mRNA capping enzyme family
protein, mRNA

AGTTCTTAGAAGATGAAAGCACCAAGATTTTTGCTCGGAAAGTCGCTGAACATTACAGTGCTAGGACGAATCA
AACTTTTCTCTATCTCCTAGCTGTG

>trans_s_12022XM_001692813|Chlamydomonas reinhardtii aminoimidazolecarboximide
ribonucleotide transformylase (CHLREDRAFT_116979) mRNA, partial cds

TAGACACTCACAACCACCAGGACTCCGCTGAGTCCGCCACAACTGCCGTAAGTATGATCAACTTGCACGATCCTG
ACATCCTTTCTTGACCTTTCAGCATC

>trans_s_12023NM_001049830|Oryza sativa Japonica Group Os01g0549400 (Os01g0549400)
mRNA, complete cds

CTTGGGAGTCCCTGATGATTTATGGAGGAGCACCGAAGGGCCCACAATTGAGGGATATAGACCGTGGAGTAG
ATATTGACTGGTACACTCCTGGTTACCC

>trans_s_12024GQ983830|Myodocarpus fraxinifolius RNA polymerase beta subunit-like (rpoC2)
gene, partial sequence; chloroplast

AATGGCAAAATCAAAATCAATGAGAATTTGGTTCATCCCACACGTACACGCCATGGGCATCCTGCTTTGCCGC
ACCGCATAGACAACACACATGTGCGCAC

>trans_s_12025AY046596|Lycopersicon esculentum pectin methylesterase (PMEU1) gene, complete
cds

CGAAAAGTGAAGGGGCAATGTTGAAAGTGAAGAGTCAAAGGATGTGATTGAAGTTTCGATTAATATTACGG
TGAAAGCTGTGGAGGAAAAAATTTTATG

>trans_s_12026Novel Gene

CCATGAGCTTTAGCTACGTTATTAATAAGTTCCATAATCAGAACAGTCTTCCAACACCAGCACCACCAAACAG
CCCAATCTTCTCCTCTTTGATATG

>trans_s_12027AY488114|Monotropa uniflora 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

CAATCGGGCGGTAAATTCTGTCCAAGGCTAAATATTGGCGAGAGACCGATAGCGAACAAGTACAGTGATGGA
AAGATGAAAAGAAGCTTTGAAAAGAGAGT

>trans_s_12028XM_002883067|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxin-3 family protein, mRNA

GAAAACAATTGCGAGATGTCTTTAATACTGTAAGTTCGCGAACTACTACACAAATAATTAATCTTCATG
AGCACAGGAAGTCCCATCATTGGTT

>trans_s_12029FJ908422|Potamophila parviflora bio-material IRGC:85424 ribosomal protein S16
(rps16) gene, exon 2 and partial cds; chloroplast

TTTGGATTGAAGGGAGCTCTATAAATAGTACATGATGGAGCTCGAGTAGAAAGATAACTAAGTCCCGCTGGA
AATGAGAGCTCGAAACCGACACTGGCTG

>trans_s_12030XM_002866842|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisomal abc transporter, mRNA

ATCGAATTGATGACTCCCTGCGGAACCTCCTCCCGTTTATAATGAACACTCCAACCTCCTTCACCATCCAAGGAT
AAGACCACATCATGGAAAGCAACCA

>trans_s_12031Novel Gene

AAAAGTTTTCTACTCTAAATTGCAGTTTTTGAAGGGAAATCTCAAACGCAGATACACAAAGATGTTGGACA
TCACGGGTGGACTCTCCTCTCCCCCG

>trans_s_12032AF116752|Glycine max seed maturation protein PM23 (PM23) mRNA, partial cds

TCCATGGACTTCTCGCAACCCTTTCCCAAAGATTCAATCCAAAGTTCCTTCTCAATCAGAAGGCGCCAAGGTG
GATGTGGTTGGCGCGTTGCCGCTTTC

>trans_s_12033U88068|Oryza sativa sec14 like protein mRNA, complete cds

GTGTGGGAAGGGAAGAAATAGCTTCTTCGTTTGACCTACGGCAAGGAAGAAAGATCAAGCTGCGGTTATTC
CATAGCTGGAGAGGGGCGCCGGACCCGT

>trans_s_12034NM_001036940|Arabidopsis thaliana APE2 (ACCLIMATION OF PHOTOSYNTHESIS TO
ENVIRONMENT 2); antiporter/ triose-phosphate transmembrane transporter (APE2) mRNA,
complete cds

GAAGCATTTATTCAAAGAAAGCCATGACTGACATGGACAGCACGAACGTCTATGCCTATATTTCCGCCGCCAT
CTCTTCCCCTCATGCCTTGTTTCATCAC

>trans_s_12035Novel Gene

AGCCCGCATCGCGTCCGCCTTAGTGCTCCTAACCACTGCCATAAATTATACTACCAATATCTATCTCTAAGC
ATGACATGCCTAACCAATGCAGCGGA

>trans_s_12036XM_002333207|Populus trichocarpa tir-nbs-lrr resistance protein, mRNA

CGAGGGACGGAGGAGGCATTACCAACATCTCCTTCCTTGGATGTTCAAAACAGGGTGTTGCAAGCTGCTG
CGAAACACGAATCTCATAGAAGTCAGC

>trans_s_12037XM_002312829|Populus trichocarpa condensin complex components subunit (CPE903), mRNA

TTGCAGTCCCACATAACTGAGTCGTCCTGGGTTTAATGCCTTCAAGGCACAGAGAGACAAGCTACAGGATG
AACGGAAGTCGCTGTGGAGCAAGTCCC

>trans_s_12038NM_001050002|Oryza sativa Japonica Group Os01g0595100 (Os01g0595100)
mRNA, complete cds

AGAAGGTGAATGAGCCCTTCGCTGTTCCCACTGCCGGGGCTTCTATATGCATGATGATCGGTTTAGAGACAA
TGCAGGCGGTGACACAGGAGAACACA

>trans_s_12039NM_001060975|Oryza sativa Japonica Group Os05g0110500 (Os05g0110500)
mRNA, complete cds

GTCAACCGAGAACCACAAGGTGCTTGACGTAAGTCTGAACTAACTGGGTTGGAATTTATAATCTGCAATTG
AAAAGCTCCTTCTCCTCGTATGGGTT

>trans_s_12040Novel Gene

AACCTTATTTTTAAATGGAATAAAATAAGAGTGATTAATTAATGGCTTTTGTTTTCTTTCTTCTTCGTTACCTA
ATAGGAATCGAAGCCACGACCTGA

>trans_s_12041Novel Gene

AGCTTTATTGAGTATAAACTTTGAATTGAAGGATAAACAGTTTGAATTAGCTGATGGAGATTGGGTTCTATGC
ACTTGTTTTCTGATAAGATTTTCATGCA

>trans_s_12042NM_001074183|Oryza sativa Japonica Group Os11g0264200 (Os11g0264200)
mRNA, complete cds

CCAACCAAGAAGCTCAGTCTTCTGAAAGTATGAAAGCCAAGTCTCATGGAAACACGGGTACTGGTGATGGTTT
ACTAGAAAAGGCGGATGCTGCTATCGA

>trans_s_12043CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

CCCTAGCCTCCGCTCTTAGGACGGGGATCAAGAGAGGTCAAACCCAAAAGAGATCGCGCGGATGCCCTGCCT
GGGGTTGAAGTGCTAAATGATTAGTCCG

>trans_s_12044EU243336|Nicotiana benthamiana bypass1 mRNA, complete cds

AGGAAAGACAGAGAACTATCAGAAGATCTACATTCGCTTACAAAGGAAGTCGACAACTTTTCCAAATTGGG
GGTACTTTATATCGTAGGGTAGCGAC

>trans_s_12045X56233|P.deltoides mRNA for malic enzyme

CCAGGAAGAGAGCCGCTACCGCCCAAGTGTGTTGGATTGGACCCCAAAGCAACTGTTGGTGGTGGTGTGA
GGATATATATGGAGAACTGACACGATGT

>trans_s_12046AY167561|Hordeum vulgare subsp. vulgare GAMYB-binding protein (kgm) mRNA,
complete cds

CGGAGCAAGTGAAACAGACCAAATCTACAAAATCTGCAATATACTTGGCACTCCAACATGGATACATGGTCT
GGTGGGCTATGTCTTGCAAGGAACATC

>trans_s_12047AM746985|Mesembryanthemum crystallinum mRNA for vacuolar Na⁺/H⁺
antiporter (nhx1 gene)

GAGAAAATTACCTTCCGGGAACAAGTTATCATTTGGTGGGCTGGTCTCATGAGAGGGGCTGTCTCTATTGCTT
TAGCTTATCATCAGTTCACTAGAGCTG

>trans_s_12048XM_002325967|Populus trichocarpa sucrose proton symporter, mRNA

TATAGCACAGTCGTGCGGACCATCTGAGCGCTAAGGTATTAGTGAGCGGGCCCATAGAAAGCTTTAAAGTAG
CACTACCCCTATTGACGGTACCGGTGG

>trans_s_12049AF304374|Nicotiana alata cellulose synthase catalytic subunit (CesA1) mRNA,
complete cds

CGCAACTGATTACATGTATGGCTTCTTTCAACAATGAAGCAGAAGTCCCTCCTCTGGCACACCACCATCTTCC
ATGAGTGTGGAAGCAATGAATGCTGG

>trans_s_12050AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

GTTCTCTATATCTAGGACACCAGAATATCTCATCCTGGCGTCGAGCTATTATCCGCAGGACCTCCCCTACAG
TATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACC

>trans_s_12051Novel Gene

CAGTATTCAACTCTTTTTGCAGAAGATGTGAATTGATGTAGTTTTCAATATCAGTAATTGCAGCCAAGCCCCGAA
GGATAAAACTCTGAATCAACAGAGA

>trans_s_12052NM_001186016|Oryza sativa Japonica Group Os02g0458100 (Os02g0458100)
mRNA, partial cds

TCCGTCGTTTCATTGAGTGCGCACGCGTCCTCGCGTGGCGTGCATGAGCCACATCAGTTGCAATGGCGAGCCT
TGTAGCAAGGTCAAGAACAGTGCCATG

>trans_s_12053Novel Gene

GTCTACTTTGACTGATTCATCAAATACCAAATCCTCTAGTTTTAATCATAAAGTGTCTACTGAGTCATATAATCA
GAAACTTAAAGAAAATTCCTCAAAG

>trans_s_12054NM_111402|Arabidopsis thaliana PNC1 (PEROXISOMAL ADENINE NUCLEOTIDE
CARRIER 1); ADP transmembrane transporter/ ATP transmembrane transporter/ binding (PNC1)
mRNA, complete cds

CAAGCTGAAAATCAGTCTGAACATCAGCGGAAGTATAGGAACATATCCGATGTGCTATGGGAGGCAATTTCA
ACTGGTCACCTGGGTTTCGTTATACCAGG

>trans_s_12055EU494958|Actinidia deliciosa xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 13 mRNA,
complete cds

CCCCATTTTGATTTTTGTCTTCCATCCCTAGTTATGGCATCAGATGCAGGAGCTGCTGAATGCAATCCA
CTACTTGTGATAGCTGAAACACCGG

>trans_s_12056AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete
sequence

GCCTTTTAACTCAGTGGTAGAGTAACGCCATGGTAAGGCGTAAGTCATCGGTTCAAATCCGATAAGGGGCTC
CACGTGCAACAAACCCCGACCCTCAAG

>trans_s_12057AF412084|*Arabidopsis thaliana* AT3g11590/F24K9_26 mRNA, complete cds

CTCGATTCTGTTAGCAATGCTAGTCTGATGGAGATTGAGACAAGATCTAGAGCCCCAACTCCGAGTGCATCGA
TTGTTGGTGTTAAACACGGTTGAAGG

>trans_s_12058GU250878|*Triticum aestivum* glucan water dikinase mRNA, complete cds

TTTAGCTTTTTGTCGAGAAACGTCGAAAGACTTTAGTGAGCGAGTTACATAGGTGTGCTTTGGTCATGTCTTGG
ATACGTAGATTTGTCCTATACACACA

>trans_s_12059AY773090|*Cucumis melo* glutamine synthetase mRNA, complete cds

ACTGTGGTGTGGAGCTGATAAGTCATTTCGGTCGAGACATATCAGATGCCCACTACAAGGCTTGTTTATATGC
CGGAATCAACGCCGACAATGTTGGCAA

>trans_s_12060NM_180285|*Arabidopsis thaliana* DWF1 (DWARF 1); calmodulin binding / catalytic
(DWF1) mRNA, complete cds

AAAGGTCGAAAACTGAGAAGGAAGTGAGGGAAGCGGAACAAGCTCATCTCGAACTACTTATGCTGACCGT
TCCACCAAACCGGCCCGACCTGGAGGTA

>trans_s_12061BT029215|*Arabidopsis thaliana* At5g63760 mRNA, complete cds

CTTTTTTTTTTACCTGTTACCTGAAGATTAATTAGATTTTTATCGCGCCAGCGAGGAGCCCTCAAGATCTCCCAA
ACGTAATAGGACTGATGTCCATGTT

>trans_s_12062NM_001063769|*Oryza sativa* Japonica Group Os06g0233800 (Os06g0233800)
mRNA, complete cds

CAAGAGAACTGGATTCTTGTGTTGGGAAGATGGATTTTGTGATTTCCACGAATGTCAAAGAGCAGCAGGTGG
GTGTATGCACTTCAGGTTTTTGACGGTT

>trans_s_12063AY286332|*Lolium multiflorum* beta 1,3 glucan synthase (GSL1) mRNA, complete cds

TCTGACCATAATTGCATTTAACAATGGAAGCTTCAATATGAAGACACTGCTGGAAGTTTTGAGTCTTGGTCCGA
CTAAACTTGTAGCAGGAAAATCACTC

>trans_s_12064NM_001052543|*Oryza sativa* Japonica Group Os02g0167700 (Os02g0167700)
mRNA, complete cds

AGAGTGCCAATGAGTATACGGATGATGAAGATCTCAGCTGGAAAGTTCGACGAGCTGCTGCTAAATGCTTAT
CAGCTAAGCGCTCGCGCGCTATATCTCT

>trans_s_12065NM_117230|Arabidopsis thaliana C2 domain-containing protein (AT4G11610)
mRNA, complete cds

GATTACTTGCAGTTGGAAATTGGTTTGGAGAAGTGTGCATGTGGAAGAACCCCATTAACAGGGCTTGTTCATCTTCTCTTTTATGCTAGTTTGT

>trans_s_12066AY635909|Lotus corniculatus var. japonicus digalactosyldiacylglycerol synthase 1 (DGD1) mRNA, complete cds

AGGGACTGGGAGCCTATTCAAGCGTTGAAAACGAGATTGAGGGAGTTCGAGAAGCGGAGTTCATCAGCTGATGTTTGAGGGCTTAAGAATGGAGACT

>trans_s_12067NR_023067|Arabidopsis thaliana (AT4G39366) ncRNA

AATGTGCGGGAGTAACTGTAGAAACAATGATGACATTTTTAAGGCTTGTCTCTCAAACATTCGCAGTGGCCGCCTTCTCGAAAGCGGAAGCGGTCCG

>trans_s_12068GQ998276|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 ribosomal protein S15 (rps15) gene, complete cds; chloroplast

TCCCAAAAAATTTGGGGGGGGGCTTTGCGTTATAAAGAATTAATTAATCAATTGGATATTCGGGAGTCAA
AAACTCAGTAGCTGCTTTGAGCCAAGG

>trans_s_12069EF135607|Clusia pulchella 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTTTTGTAGCCGCGCGCACATTTGCTCACATCTCGTTGGTCAGATCGCGATTTCATACCGATATCCGCAGGGA
CCATCGCAATGCTTTGTTTAAATTA

>trans_s_12070AY444338|Oryza sativa (indica cultivar-group) cytosolic NADP malic enzyme mRNA, complete cds

CATGGTAGGTAAGACTGTGTTGGTCCGGAGTGGACCTCTAAACCTTCAGGTTCTACACGAGTTTCTGATTTCAC
TGCTTAAAGTGATTGTGACGACCAC

>trans_s_12071XM_003074609|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g05920) mRNA, partial cds

TCAATAGACAGATAAACTGCACCCCGACGCCAGCGCAGGCCACCGCCCCGCATCCCCTCAACATGCATGATCC
TTGGGGGTTGGTAATGATTACCGAGTA

>trans_s_12072XM_002874047|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aminoacyl-tRNA synthetase family protein, mRNA

AGTGCTTCTTTGGTACCTGAAGATCCACAGTGTTATTGACAATTGCAGGAATGCTTCAATTCAAGCCTGTATT
TCTTGGAAGGTACCCGAGTGTTGTA

>trans_s_12073Novel Gene

CAAATCTTCTTTTCTCCATTCTCCTTACAATGAGGATAAAAAGAGAAAGAGTTTTCGTATGAAGGTCTAA
CGACAACGTATAAGTCGAGGACAACG

>trans_s_12074NM_129307|Arabidopsis thaliana PHD finger family protein (AT2G37520) mRNA, complete cds

CCCGAGTCTTTGCATAGCAAGAAACAAGCTAAGGAAGTGTCGAATGAAGACGTCGCTCAGAAGTATCGAAT
CCCGTAGTTAGAGGCTCTCTCTCGACGG

>trans_s_12075Novel Gene

GAGCACAATCATCCTCGAAGTGCGCAAGTAATCTGTGAAATTTGAATGATTAAGTGTCTACTGTACTGAAACTT
CCTTTCCGAATTCCAACGGGACTTTA

>trans_s_12076AF195028|Glycine max plasma membrane Ca²⁺-ATPase (SCA1) mRNA, complete cds

CAGGTGAGAGCGAACCAGTCAACGTAAATTCTCAAATCCTTCTGTTGTCTGGAACAAAGGTTTCAGGATGG
TTCAACATGAGCAACCACAGTCCTCAA

>trans_s_12077DQ872405|Triticum aestivum arabinogalactan protein AGP1 mRNA, complete cds

GATGCGGATTGAGACGGCCCGTCGAGGTTCTCGGTGTGCCGTAGGCAGAGACCCAGCGGGTGGGCGCACTG
CTGCCGCGGAGGGTGGGAGAGAGGACGGG

>trans_s_12078XM_002893541|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycyl-tRNA synthetase, mRNA

AGAATATGTTGGAAGTTGATTGTCCTTGCGTTACACCAGAAGTTGTCCTGAAAGCGTCTGGTCATGTAGATAA
GTTACAGACACCGCAACCGGAAGCAG

>trans_s_12079Novel Gene

CATCCCCTCTGTTATCATTTCTCCAACAAACAATCGTTCTTCTCATCTTGAGGAGCCAGTTCAGAGCTTTCACT
CGATTTTGAATCTCTATGACCTT

>trans_s_12080DQ812086|Cucumis sativus NO₃-stress-induced mitogen activated protein kinase mRNA, complete cds

CATTTGACCCAACAAAGAGAATTACTGTTGAAGAAGCATTAGCACATCCATACCTAGAAAGATTGCATGACAC
AGCCAGCAGATTAACCCATGACTCTAA

>trans_s_12081XM_002877589|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AtClpC, mRNA

ACTGCAGTGCATTGGTGCGACAACCTTGACGAATACAGAAAACATATCGAGAAGGATCCAGCCCTAGAACG
GCGATTTTCAGCCGGTATTTCATTGGAA

>trans_s_12082EF135607|Clusia pulchella 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTTTTTGTAGCCGCGCGCACATTTGCTCACATCTCGTTGGTCAGATCGCGATTCATACCGATATCCGCAGGGA
CCATCGCAATGCTTTGTTTAATTAA

>trans_s_12083XM_003078599|Ostreococcus tauri apyrase (ISS) (Ot04g01290) mRNA, complete cds

CTTAGACTGGAGCTCATTTAGCCCAAGCCCATGTGCGCGAAGTGGGCGCCCCAATAGCATGGCTTTTTGCTAC
GACTTCTTTTTTTTTTCAAAAATGGGA

>trans_s_12084AL161565|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 65

GAAGCAGGTCGTCTTGACGCTGAATACCTAGTTTCTCAAGGTTTGCTCCCATCTAGTGTTTTGTCTGGTAAATG
GCAAGGTGGAACAAGTAGAGACCACT

>trans_s_12085XM_002883060|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata beta-glucosidase, mRNA

CAGTCGGAAGAGACGTGAAGGGGTAACGTGGTACAGCCTGGCAGGCATTCGTGCGTACGTGCTGAACTCCA
CAGGTGGGGTAAACACCCATCCAAACAA

>trans_s_12086Novel Gene

CGCTATCGCTCTCGTGGATAGAGATAAAGAGAAAGATCAAGCCTACCATCTAGATCTTGATTCACTATTGCCTT
CTTTAGAGCCTCTGTTCTTTCTCTC

>trans_s_12087NM_001061527|Oryza sativa Japonica Group Os05g0237400 (Os05g0237400)
mRNA, complete cds

CAAGATTCTATGTGGCTGAAGTTCTCCTTGCTTTGGAGTATTTGCACATGCTTGGGATAATCTACAGGGACCTA
AAACCTGAAAATGTGTTAGTGAGAGA

>trans_s_12088XM_001691487|Chlamydomonas reinhardtii Qc-SNARE protein, Syn8/Syntaxin8-
family (SYP5) mRNA, complete cds

GGGGAAGGATGAGTCGCCTTCGCGCTCATGGGACCTTAGACGGGTACTATGTGCGGGCCTTCGGTAGCACCA
GCAAGCCCTTCCCCGAAGGCACTTCTT

>trans_s_12089Novel Gene

CATCGAAATTCTCTCCGCGATTTCTCCTGGATCGATCGAACATGCAGGGCAATGATCTTAATGGCTATTGATTC
CCGTATTTGCCAGGAGCCATCTGCAG

>trans_s_12090Novel Gene

TGGGTACATTCGGATGACTTGATCATCAGTGGAGGAGACGGTGGTGGCGGCGAGAACGAGAAGGAAAAGG
GAGAGAGTTGAAGTGGGAGAAGCCATGGTT

>trans_s_12091Novel Gene

AGAATCAGAGGAGCAGATTGCAGCAACAGTTAATCAAATATTCAGTTTTATGAACAATGGCAGACTGGTCAC
GTCTTTTGGGAATGTAAACAGGCAGTA

>trans_s_12092NM_001071865|Oryza sativa Japonica Group Os10g0552700 (Os10g0552700)
mRNA, complete cds

CTATTCGTAAGCGCTTTCTTTTCATTGATTGAAGTAGCTCTAGCTTGCTTCCAAGTCCAAGGGGTAGAAG
CTAGTCGCCAGAAGCTCACTCCGGG

>trans_s_12093AB304458|Phaseolus vulgaris PvGAI2 mRNA for DELLA protein, complete cds

GGAATGCAGCGGGTTCGTTGCAGCAAGTCGGTTGGAAGTTAGCGCAGATGGCAGAGGCCATTGGTGTTGATT
TCGAGTTCAATCACATCGTGTGTAGTAA

>trans_s_12094NM_001071053|Oryza sativa Japonica Group Os10g0393100 (Os10g0393100)
mRNA, complete cds

CTAGAGACCCAGCCTGGCCCGTTCCGAGAGCGATGAAGTAGGAGTAGGCCCTCCGCCCCGCGTCCCCTTCATA
CACCTTAAAGTTGTTTCATAAGATAGGA

>trans_s_12095DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K
(matK) gene, partial cds; chloroplast

TCCCCCCTTCCTCGCAGCCGATGCTTTCCCGTTCCGGGACACAATGACTGCAAACCCTTCTGATAACATTGGA
GAATACAAGTTGTTATTGTACCCACA

>trans_s_12096FJ040205|Catharanthus roseus jasmonate ZIM domain 2 mRNA, complete cds

TTTCTCTTCAAGAACTGACTCAACAGGTTACAGGTCTGAGCAAATTCGATTTCTCCAGCCGCTTCGCCAGCT
GCTGTCGGTCGGAAAGTCTCCCCCT

>trans_s_12097AB112080|Nicotiana tabacum mRNA for 24K germin like protein, complete cds

TCAAAGAAGTTGAAGGGTGTTTTGGGTGGAAGTGGCTAAGAGATTTTAAGAATGAGATCGTTGGTTTTTTTA
GAGTTTGGTTTTCTTGTACCACTTTT

>trans_s_12098XM_002874153|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ctc-interacting domain 13 (CID13),
mRNA

TGAATGCAGTGAAACGAGATGAGATGACCAGAAGGACAGTGTATGTATCAGACATCGATCAGCAGGTGACT
GAAGAGCTACTTGCTACTGTCTTTGCTAG

>trans_s_12099NM_112195|Arabidopsis thaliana OVA5 (OVULE ABORTION 5); ATP binding /
aminoacyl-tRNA ligase/ lysine-tRNA ligase/ nucleic acid binding / nucleotide binding (OVA5) mRNA,
complete cds

CCAGAGGAGATATCTCAATAGGGTAATCCAGAACAAACGTGGGTGAATGAGTTTCGGTTCACAACAAGCT
CGAAAAATCTCAGATAGCAGATGCCCAAT

>trans_s_12100AY056388|Arabidopsis thaliana At1g70370/F1707_9 mRNA, complete cds

GAAGGGGTTCGGTGATGGAGATGCCAGACATCAGAGATAAAATGCCGAAGAGGTCTTCTTGCCTCGATCTAT
CCTGCGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCT

>trans_s_12101XM_001690275|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GGTTGGTTCTGCGACACTTCTTCAGCGCCATCCGAATTTGCGGGTCTGGCATCCTTGTGTAAATTCTACACG
CGGTGTGGGGAGTTCGGTGTAGGAGG

>trans_s_12102Novel Gene

GTTGCTTCTTACTGGTGAACCTCTCATATTTGATCATGGTGGATGTTTGTGTTCCGAAGCATAAATTGATTG
AAATCTGCCAGTATTAAACAGCTCC

>trans_s_12103Novel Gene

AGAGACGCTACCTCCCTCCATCCGGTGATGAAAACCAACCCGTTTGATCTCAGCTATTCCCTTGTCTCACAGTC
ATCTACTACTTCGAACAAAAAAACC

>trans_s_12104Novel Gene

GATGCTACCGCGGAGTGGGACTCTTTCATTATCATTGTGATAGCTAGAAGAAATCGACTCTTCGCCACCTCCA
TCTCAGGCCAACTTCCTATTCAAAT

>trans_s_12105CP001330|Micromonas sp. RCC299 chromosome 11, complete sequence

AGGATAGTCACTTCTCTGGGGGACCCAACCTCTCTCTCGGGGGAGGGGGGCGAGCGGGAGCCAGGATCCGG
GGAGGGCGGGGGATCCGGAGGGTAAGAAG

>trans_s_12106Novel Gene

AAAGGGAACAGGGGAGGTTTCGCCCCGAAAGAGTGCAAGAGAGAACCTGAGATCCGATGCTTTCAATCAGTC
GAAGGAGCGGCAAGGGAACCTGAACCTAAGAGAATCTCAAGCTATCTCACTCTAACGGCGTACCTTTTGCATG
ATGGGTCAGCGAGAAAATGGGAACTGCGGCTTAAGCCATTAGGTGTAGGCGCTTTCCAGAGGTGGAAGATTG
TCGTTCTTCTATTTGACCCGAAACCGATCGATCTAGCCATGAGCAGGTTGAAGAGAGCTCTAACAGGCCTTG
GAGGACCGAACCCACGTATGTGGCAAATACGGGGATGACTTGTGGCTAGGGGTGAAAGGCCAACCAAGAT
CGGATATAGCTGGTTTTCCGCGAAATCTATTTCACTAGAGCGTATGATGTGATGGCCCGAGGTAGAGCACTC
AATGGGCTAGGGTGGCCCCATTTGCGCTTACCAACCCAGGGAACTCCGAATACAGGCCTAGATCGTTTGTA
CAGACAGACTTTTGGGGTGCTAAGATCCAAAGTCGAGAGGGGAAACAGCCAGATCGTACGCTAAGGTCCCTA
AGCAATCACTTAGTGGAAGGAAGTTCTCGAGCGATGACAACAGGAGGTGGGCTTGGAAGCAGCCATCCT
TTGAAGAAAGCGTAATAGCTCACTGGTCTAGCTCCATGGCACCGACAATGTCTCGGGGCTCAAGTGATTACCC
GAAGCGACGAGACCTTGAAAGCAGCTTTTTCAAGTGTCAGTAGCGGGACGTTCTGTCAATCGGGGAAGGTTT
TTGGTGACAAGACCTGGAGATATCAGAAGTGAGAATGCTGACATGAGTAACGAGAAATCCTGTGAAAAACAC
GATCGCCTGCCAGTGGAAGGCTTTCTGCGTTCACTAATCTACGAGAGTGAATCGGTCCCTAAGGAACCCCC
GAAAGGGCTGCCGTCCGATGGGTACACGAAAGTGACGAAGTAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTGTCTGTT
GGAGCGAATAGGATGATCGGGCCGAGGGCAGCCCCCTTCCCCCTCACTCTCCTTTCCCGCTCCGTGGGATTC
ACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACTCGGCCTGGTCCGGTCGCCCTACGCGACTGGCGCGGCCGAAAGGCG
AAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGGCGGACACCTTTTTTTGTTATCTAAAGGCTTTGACTC
TGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGGCTCCGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTTCTCA
GCACTTGAGAGTGTGCGCTTTGTTTTGAAATGTCTCGTTACGCTCACGAGTCTACAAGCCTTTCTCATTCCAG
TGCTCGCCTTTGAGTAGGGGTCCCGAGAGAGCGTACCGCCATAGTCGTGAGTCTGTGATGTCAGCGCTGAGA
GTCGCGACTCTTGTATAGTGAACAAGGTTGAACTTCCAGGAAAAAACTTCTTTTTGGGAGGGCAACCTCC
CGGTGAACTGACCGTACCCCAAACCGACACAGGTGAACAAGTAGAGTATACTAGGGCGCTTGAGAGAACCAT
GTCGAAGGAACTCGGCAAAATGACCCCGTAACTTCGGGAGAAGGGGTGCTCTCCTATCTTTTTCTTAGGAAAG
CGGCACATACCAGGGGGTAGCGACTGTTTATTAACACAGGACTCTGCTAAGTGGTAACACGATGTATAG
AGTCTGACACCTGCCCCGTGCTGGAAGGTCGGAAGGAGAAGTGTGATAAGCTTTGAATGGAAGCCCCGGTA
AACGGCGGCAGTAACTCTAAGTGTCTAAGGTAGCGAAATTCCTGTGCGATAAGTAGCGACCTGCACGAATG
GTGTCACGACTGCCCCGTGCTCCGACATGGACCCGGTGAAATTGAATTCTCCAGAAGATGCGGAGTACCA
ACGGCTAGACGGTAAGACCCCGTGACCTTCACTATAGCTTCGCAGTGACAACCTTGATCGAATGTGTAGGAT
AGGTGGGCCTCTTACAACACACAACGACCAATCCTGAAAGACCACTTTTCGTCTAAGGATGCCTAACCGCCG
CACCGAGTTTTTCGGGGGGGGGCGGGGACACTGCAAGGTGGGTAGTTTATCTGGGGCGGATGCCTCCTAAAGA
GTAACGGAGGTGTGCAAGGTAGGCTCAAGCTCAGATTCTGCTCGTGAGCGTAATGGTATAAGCCTGCCTGA
CTGTGAGACCGACTGGTCTGAACAGAGACGAAAGTCGGCCATAGTGATCCGGGAGTTCGTGTGGAAGGGCT

CTCGCTCAACGGATCAAAGGTACGCCGGGGATAACAGGCTGATGACTCCCAAGAGCTCTTATTGACGGAGTC
GTTTGGCACCTCGATGTCGACTCATCACATCCTGGGGTTGAAGAAGGTCCCAAGGGTTCGGTTGTTGCCGAT
GAAAGTGGTACGTGAGTTGGGTTTAGAACGTCGTGAGACAGTTTCGGTTCCTATCTACCGTTGGTGTGAAAGG
GAGAACTGCGAGGAGCCAACCCTAGTACGAGAGGAGACCTTTGGGGGTTGGATTGGTGTACCGTTGTTATG
CCAATAGCAGCGCCGGGCAGCTAAGTTGGTATGGAAGAACCGCTGCGCCGCGGGAAATCCTTCTCTATAAA
GTTCTCGGACGAGGTTTTTGCTCTAATCTCTATGCTAGC

[illegible]

>trans_s_12108AB021862|Cucumis melo mRNA for HMG-CoA reductase, complete cds

TCTTCCTCTATTTTTCTTTCTCTGTTCTCGCCGGAGAAAAACATCCCCAATGGACCGCCGGCGTTCTCTCCGAC
CACCGCGTCCCAACGCCGTACAGGATGCTGATGCCACCTGTACCTTCCGTCGGGACGAACAAGACGCATCGGC
GGCCGACCACTTGAAAAGAGCATCGCCTAAAGCTTCGATGCTCTTCCCCTTCTCTCTACCTACCAACACAA
TCTTCTTACCCTTTTCTTCTCCGTCGCTTATTATCTTCTTACCGATGGCGCGATAAGATCCGAAACTCTACACC
TCTTCACGTCGTTACGCTCTCCGAAATCGCCGCCATTGTTTCTCTCATGGCTTCCTTCATTTATCTTCTTGGATTT
TTCGGTATTGACTTTGTTCACTCTTTCATAGCGCGTTCTCTCCCGATGCCTGGGATCTTGAAGATGAAATTGAT
CGAACTCTTCTCATCGACAACAATCGCTATGCTGCACCTCGTTCGCGCTGCTGCTGTCGCTTTGCCGTCCAAAGT
GGTCGACGCCGAGGCTTTGAATACAATTCCATTGCCGGAGGAGGACGAAGAGGTTGTGAAAATGGTTGTGG
ATGGTTCTGTTCTTCGTA CTGTTGGAATCGAAACTTGGGGATCCGAAACGAGCCGCTTCCATTCGCCGTGA
GGCACTGCAGAGGACGACTGGAAGGTCGATCCATGGACTTCCATTTGAAGGATTGATTATGAGTCTATTTTA
GGGCAGTGCTGCGAAATGCCGGTTGGGTATGTTCAAGATTCCGGTGGGAATAGCGGGACCTTTGTTGCTGGAT
GGATTCGAGTACACCGTGCCGATGGCTACGACGGAGGGTTGCTTGGTGGCCAGCACCAATAGAGGTTGCAAA
GCGATCTATGCGTCTGGTGGAGCAACGAGCATGTTGTTGAAAGATGGGATGACCAGAGCGCCGGTTGTAAGA
TTTGGGAGCGCCAAAAGAGCATCTGAATTGAAATTTTTCTTAGAGGATCCTAGTAATTTTGATACCTTGCCCGT
CGTTTTCAACAGGTCTAGTAGATTGCTAGGCTTCAAAGTATCCGATGCTCTATTGCTGGGAAGAATCTTTATG
TAAGATTTTGTGTCAGCACAGGCGACGCCATGGGAATGAATATGGTGTCTAAGGGTGTCCAGAATGTCCTTGA
ATTTCTTCAACATGATTTCTCGGATATGGAAGTCATTGGTATCTCTGGAACTTTTGTGCTGACAAGAAGCCTG
CTGCCGTGAATTGGATTGAAGGACGAGGAAAGTCTGTGGTCTGTGAGGCAGTAATAAAGGATGAGGTGGTG
AGGAAGGTATTGAAAACCAAGTGTGCGAGTCTAGTAGAGCTTAACATGCTTAAGAATCTAACTGGATCTGCAA
TGGCTGGCGCTCTTGGTGGTTTTAATGCTCATTCCAGCAATATTGTATCCGCTATTTTCTTAGCAACTGGTCAAG
ATCCAGCACAAAATGTGGAGAGTTCTCACTGCATCACTATGATGGAACCTGTTAACAACGGCAGAGATTTGCA
CATCTCTGTCACAATGCCTTCCATTGAGGTTGGTACTGTCGGAGGTGGAACCTCAACTGCATCTCAATCCGCTT
GTTTGAATCTTCTTGGTGTGAAGGGTGCTAGCAAAGAGTCTCCGGGAGCCAACTCAAGGCTTTTAGCCACCAT
TGTGGCTGGCTCTGTTCTTGCAGGTGAGCTATCCCTCATGTCTGCTATAGCAGCTGGACAACCTGTGAGGAGT
CACATGAAATACAATAGATCTAGCAGAGATGTATCAAAACTTGAATCATAAAAGGTATTAGATCAACAAAAGG
GTGGGATCCAGTAGAGATAGAAATAAAAGGGGAAAAGATTGGATCTTTTTGGTGGGAAGTAGCAAAGAAAA
TATGGCTTCTGGCTGGTTTACATGTGATTTCCAGAGACTAGCCTAGCTGGAAGGTGGCCCCCATCGAGGAAGA
CATACAACATGGTTGGATAAACTCTTCTGTGGTTCATCTAGACATATTGTGTGCCCCACGAAGATATTCGG
TGTGTTATCTTCTGTTTGTGTTTCAAAGAAAAGAAAAAGAAAAAAGAAATAATTTATATTTATTCTCATT
GTTAGCCTTCTGACATTTGAAAACTTGATGATTCTCGTTGGTGTGTTATCTGTTTGTAGATTTGTAGACGAT
GGTGGGGGAAGAGAGGGGCTTAGTTTTATGTATGATAATTATGTTTCTTGTACGTATTGCTTGGTCAAGTT
ATGGTGGTGGTTGTTGTAACCTTGTATGGTTGTAACCTTGATAACTTCAGATTGTGGTTCTAAACCATTCA
CTGTATTTCAATGGGGTATGGGTTTTGTCGAAAAAA

>trans_s_12109HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)
mRNA, complete cds

TGGGGAAGCTGATCTGAGCCTTTACCTTGGAGAAGACCAGCAGAAGATCACAGCTTCCCAATTCTCAAAAAGAA
GGAAGTGACAAGAAAGAGTATCCAGTTGATGTATCGCTGCCCACATCAACAGTGGGATCTACGGTACCGAT
GATTTCAAGGATGTATACTTTCAAAGTGAAGCCTTGTTGAGGGCGTATTCGCACGATTGGACCGAGTGCCCTT
TCGTTTCATCCCGGTGAGAACGCTAGGCGTAGAGACCCAGGAAGTACCCATATAGTTGCGTTCCATGCCCTGA
ATTCCGCAAGGGGGCTTGTCAAAGGCAGATTCTGTGAGTATGCACATGGTGTGTTTGTAGTCTTGGCTCCAC
CCTGCTCAATACCGAACCCGGCTCTGTAAGGATGAGACTGGCTGCACAAGGAAAGTCTGCTTCTTGTCTACA
AACCTGATGAGTTGCGCCCAGTATATGCATCAACAGGCTCAGGCATGCCTTACCCCGATCTCTTTCGAGCAGC

ACTGGAGATATGTCTACCGTGAGCCCGTTGGCTCTTGGTTCGTCATCGTTGTCGTTGCCAACCAACCTCAACACC
TCCCATGTCTCCCTTAGCATCAGTGTCTTCCCCTAAAAATGGAACTTGTGGCAGAACAAGATTAACTTACCC
CTCCTGCTCTACAGCTCCCTGGTAGTCGGTTAAAGACTACCTTGAGTGCAAGAGATTGGATTAGAGATGGA
ATTGCTCGGATTAGAAAAGAACGCAAGCCAATTACAACATCAACAACAGTTGATCGACGAGATTAGCCGGCTC
TCGTCTCCTTCTTACTGGAATGCAGATGTAAGCAGGAGTGCAGAGATGAAGCCATCGAACCTGGATGACATGT
TTGGATCATTAGATTCTTCTTATTGTCTCAGTTGCAAGGCGCCTCATTAAAAACACCGATCTCAGCTCAAGTTC
AATCCCCGACTGGGCTGCAGATGCGCCAAAACATGAACCAACTTCGTGCAAGTTACCCATCTAATAACCTATC
ATCCTCACCTGTAAAGAAACCTCCTCTTTTGGCTTTGACTCATCAAGTGCAGTGGCAGCTGCAGTGATGAACT
CAAGGTCTGCTGCCTTTTCAAACGAAGCCAGAGTTTCATTGATCGAGCTGCAGTGTCCCGTCTTCTGGGTTT
ACCGGAGCTGCAAATTCTGCAGCTACTATGTCTTCCCATCTCTCAGATTGGAACCTCCCTGATGGAAAACTAGA
CTGGGGAATGAATGGCAACGATCTCAACAACTCAAGAAATCTGCTTCTTCGGTATCCGAAACAACGGCATA
GGAACCTCCACGTTTCGCTCCTCCGGTAGAGGAACCTGATGTCTCTTGGGTAACTCTTGGTCAAAGATGTTCC
CTCCGAAAGCTTTGGACTGTTTGGTGCCGAGAAGCGTCCATACAACCTCAAAGGGGAAATCAATGAGATGCTC
CCATCCTGGATGGAGCAGCAGTTGTATGCGGAGCAGGAGCAGATAGTGGCATAAGCAGCACTCCCAAAAATC
CCCTTCATTATGCTAACAATATCTAAGTTCTTTACATTTCAATATTTGATTACAGAACTAAAGTTTAAAG
GTAGTAGTAAAAAGAGAATTGTTCTAGAGTCAATTCTAGTTCAAAAAATCGCCCTGAAGTTTCGCTATGGGAT
CGATCGATGATCATCGGACAGAGCAGTAACAGTCTAATGATCAGATCAGTAAGATATCTTTGTATTCTTTTCAT
TGTATTATATTATATTTGTTAATTTTTTTCTCCAATTTGGGGCTGATATAAAATGAGTATGTATTCTTAGTACAA
TAATAATAAGATAATGTTTCTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTAAATCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGG
GCCGGGCCCCCACTCCCCCTTAAGGGGGGTTAATAACCCGGCCCCGGGGCCCTTTTTTAAAAGGGGGGG
GGGGGAAAAACCCGGGGTCCCCCATTTAACCCTTGGGGGACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGGAAAAA
CAAAAAGGGCCCCCCCCACCCCCCTTCAAAGGGTTGGCCCCGGGGGGGGGAAGGGGGGGCCCCCCCCGAA
ACCCCCCATTAACGGGGGGGGGG

>trans_s_12110XM_002893357|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-
containing protein, mRNA

ACGCTTCTCTTTCTTCTTCATCTTCACCCCAATGCCATTTCTCCAGATTTGATGCTCCATCCATGGCGTCCAAA
ATGGCGATTCTCTCCAGGACTCATTCTAATCAGAACCACAAGCCTCAACAATGTCTGCTTCTCAAGCCCAT
TCCACCTTCACACGTCTCTCTCAAGAACCTCAGCTCGTAATGAACCAAGTGGACATTTCTTCAACTCCACTTCCA
CCGAATCCCGCTCTGGTAGTCCACTTTACAATGAGAACTGGCGGAATCCATTCACCAACTATTCTATGTCTCA
CTCTATGATTCTGATGGTTTACTTAACCAATCCCCGAAGTATCGTATCCAAGCATTGTCTCAAACGCTTGATGT
TCAAAGCTTGTTGAGCGTTTTTGTGATTGGATGGCTTCCAGCGCTGGGAAGATATGAAGCAGTTGTTTGAG
TTTTGGATTGCGTCGCTGGATAAGGATGGGAAGCCTAATAAGCCAGATGTAACTTGTATAACAATTATTTGA
GGGCTAACTTGATGTCTAACGCCACAGCTCGGGTGCTTCTGGATCTACTGGCTCGAATGGAGGACTATGCGAT
CTCACCCAACACTGCATCATTCAATTTAGTATTAAGGCGATGTACCAAGCTAGGGAGGTTGAGGCTGCTGAA
AAATTGCTTGAACGTATGTTGCAGACAGGAGAAGAGTCAATGCCTGATGATGAATCATATGCTTTAGTAATTG
GAATGCTGTTGTCAAAAAATCAGATTGATGCTGCCTTGAAATATATTGACTTGACCTTAAAATCAGGTCATATG
CTGTCGTTGAAAGCATTCAATGAATGTGTGCGGAGCTGTGTTAAACAAGGCAGGCTGGACACACTGGTGTCG
GTAATTGATAAGTGCAAGGCAACTGTCCAGAATAAAGCTCTTAGCCCAACATGGAACCTGTGTAGTGATATTG
CTATAGCCGCAACTCAAGAGAATAATAGTAACTAGCTTATTATGCTCTAGAATTTATGGCCCAATGGATTGCT
CGAGGTGAAATTGCAAGGCCTCCAGTTCATCTTTCAGTAGACGAAGGATTAGTTGTTTCACTCTTGGAAGTGC
AGGTAGAACCTACAGCTCTTCTCTTTAGATGCAGCTTGGTCAGTTCTAAAGCGCTCATTACGACAAAAAGAAG
GTTCCAAATCCTGAGTCTTACCTGGGAAAGATCTATGCTCTTGATCACTTGGGAATTTGCAGAGGGCCTTAG

TACTCTACGTGAATTTGAAGAGGCTTATAGGAATTCTGACGATGGATCTTGTGAAGATACGTTTTCTCCGTTCA
CTTCTTTACATCCATTAGTTGTGGCATGCTCTAAGAAGGGTTTTGAGACCCTGGACTTGGTTTATTTCAACTGG
AAAATTTGAGCCGTGCAGATCCTCCTTACAAGTCTGTTGCTGCATTGAATTGTGTGATTTTAGGCTGTGCAAA
ATATGGGACCTTGATCGTGCATACCAAACATTTGAAGCAATTGGTTCCAGTTTTGGTTTGACCCCCGACATCCA
TTCATACAACGCTCTGATGTACGCATTTCGGAAGGCTAAAGAAGACATTTGAAGCTGCAAGGGTATTTGAACAC
TTAGTAGGTTTGGGCATCAAACCAATGCAACATCTTATTCAATTGCTTGGTGCTCATCTCATTAAACGCGA
TCCCAAATCTGCTCTTGTGCAATTGATAATATGGTAACGGCTGGATTTGCACCTTCAAAGAATTGCTGAAAA
AGGTGAGGAGGCGATGCATTCGAGAGCAGGATTATGATAGTAACGATAAGGTGGGGTACCTGGCCCAGAAT
TTCAAATTCGAATGGGATCAGAGAGCCGTAGGGATATTCTATTCAATCTGAACTACGGCAGCAATTACGATG
CATAGGCTCACATTCAACTTGAAAATCAGAGGTGCGTAATTGGTATGTCAAACCTGCTAGAGTTTGTCTCT
TGAATTAATGCTATCCTGTATTTGTAAATTATTAGAGTCTACAAGCTTCAACTATGGCAGGATGAATGTTAGG
ATCGTGCCTTCTTCTCATTATAGATTCAATTATTTGTTTTTTAGCCCTAAAGATAAAATTAGAGAAGCAGG
ACTGAGTAGTTCAGACATTTTGATTTGACGAATAATATGGCCGACTGGAATTGATTCTGTGACTCCGTCAGC
AGCTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12111BT030360|Arabidopsis thaliana At5g64170 mRNA, complete cds

ATGGGCTAATATTGGAAGTTTTGATGACTTAGATAGAATTTTCAGCAATGATGACCCAATATTGGCCAAGTA
AGTCTCAGTGATGCTGATGAGCTATGGTCGCCTTCTTCAAAGATTTGGGTAACAGCCCAATGAAGCTATTCCC
AACTGTGGAGTCACGAAATTTGGACTCCGGAGTGGATAATGAAAAAATCAAGAATCCAGAGTACTCAAACA
AAATGAGCAAGTATCTACTCTCCCAATGGGCAAAGTAATGATGCTGGATCACTTGCCTTCGGACTGGAAGT
GCAATCTTAACAAATGTAGAAGGAGATATAACTGCTACTATTGCAAAGGATCGGACAGGTCTGGAGAAAATG
CCAAATCCAGATGCAGTGACACTTCAAAGAGCTGATATTATCACATCTGCCAATGAGTTTTCAAATAAGATTGG
TAGGCAAAAGAACTGTTGAAATCTCGTAAAAGATCTGAGGGGAAAAGCAATGAGAAAATTCAAGACTTTTCG
TGGTAACTGGCCTTCATCAACGAGCCCAGCAGGTCAAGTTTGATAACAATCTTGCTCTACAGCTGGGAACATCTT
CGCCTTCAGTTATGACTAAACATCGGCAACTTCAAGGACTTGAGCCATTGCAATACCAGCGGAGTTCCAATCCT
TCGATGCACCAGTCATTTTATCCGATTGCTGCAAATGCATATCCTGCTGTACCCTTGTTGTCCCAAATTCAGCCG
GTAGATCTCCAGCATCAACCTCTTCTTGGTCAAGATATTTCCCTGGTGGTACGAATCGTGTGGACAAGCCAGC
TGATGGGTTTGTGAAGTCTCTTACCATGACACCTCAAGAAAAAATTGAAAACTTAGGAGAAGGCAACAAATG
CAGGCAATGCTTGCCATTCAAAAACAACAGCAACAGTTCAATAATCAAGTCTCTACTAGTAGTCAATCTATTTT
TCCAAAATGTCCCAAGAAATTCAGTCACAGCACATTGAAAAGAATGATCTTGATTCTGAAGAAATATACACTC
TTCCCGCTCTAGATCCAAAGTCGCCTTTAGAGCAAGATGATTGAATACAGTCTCCAGCACAGTTGATCGTTCT
TCTATGGAAGATACAATTCTTTGCAGGCTTCAAGAAATTATTTCAAAGCTGGATTTCAAGATCAGACTTTGTAT
CCGGGACAGCTTGTTCCGATTGGCTCAAAGTGCAATGCAAAGACATTATGCTAACGATACAAGTAGTTCCAAC
AAAAGTAGCAGAGATGAGAATGACTTCACTGCTAAAGGAGAAATCAATAGTCATTGCAGAATTGCTGGGGTC
CCGGATGCTGAAACAGAGACCAATCCCATTGATAGGACTGTGGCTCATCTGCTCTTCCATAGACCCTTCGAAC
TACACAAAATATGTTGATGCGCCCGGATCTCCTATTTCCCTAAACTTTCTTCTGAACAGAAGGCAGATTGA
AGAGCTTGCCAATGGAGTGCTTACCTTACAATGCATCGGGCAAACATCATGTTTCTTGTGAGGTTCTAAAAGT
TCTTGGACGTTAGCAGAGACGCAGCAGCAGATAAAAAGTAGTCCTTGTATGGAGACATCAGATAACACGTCC
AATACTGGATTGGTAGATGATGCAGTTCTCGAGTATGAAGCTTCCCAGTGAGGAAATGTGCATGCCACTAATA
TCATACGGATCTTACAAACCACAGTTGTGGGAGCCTCAAAACATCGACCAACTCGTGGAGCTTGAAGTATCAA
AACCTCAAAATGTACAACATGTCTATGTATTAGAAAAAATAAACTCGGAAGAACGATTTGGAGACCAACTTG
TCTGTATCTTAACATGCACCAGCATCAACTGGGTTGTGTTATTTGTGTGATGCTATGTCTGTGTAGTACCTGTG
AGCGTCTGGATGTTTTTTAATTTTAGTTCTTGTGAAAGATTGAAACATAACTTTAGATCATTCACTCCAA
ACCAATGGAGTTTCCAGACTCTGATAAAATTTTAGTCCTAGTGGTTACTTTCTTAAGGTGAAGATTGGTGAA
TTTGATTCTCAACGAGCTTCTCGAGTTCTGGTTGGATTTTGGATAACTCACTTAGTGTATTTGTATTCCCAAT

GTATGTTTTATGTCTACGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12112NM_114919|Arabidopsis thaliana nucleotide binding (AT3G50590) mRNA, complete cds

GGGGGTGGAACTGGGAAATCAAACTCCCACCACTTGAAGGCTATACCACAATGGGAGCTAGCTGCAGAA
GTGATGCCGTATATGAAAACAGATGATGGTTCTATACCTTCAATTGTTGCTGATCATATCGGTGTTTACCTTGG
CTCAGTTAAAGGTAGAGGCAGTATCGTTGAAGTAGTAAGTGATGACAGCCTGGTCAAGTCTTTGCACCCGCT
GGTGGAAATGTTGATAGGGCCACTGGGCTTCAAACACCTCTAGCAAAATCCATTTCTAATAAATCCAAGGCAT
CTTCTGATGGTGACTCAAAGGATAATTTGATGGGTCTGGAACTCTAATGAAACAATCTTCTAGTTCAGCCGCT
GCAGATGAACAGGCTAAAGCGGAAGAAGAGTTCAAGAAAACGATGTATGGTACTGCTAATGATGGTAGCAG
TAGCGACGAAGAGAATGTTTCAAAAACGCTGAAAGCTACACATTAGAATACGAGATAAACCAAGTTACATCTCCC
ACAGTTGATGTGAAGAAGATCAAAGAAGCTACGATGCAATTTAACTTGGGGAAGGATTTGGCCCCACCCATT
AGCAGAACAAAGTCATTGACTGGCAGCACCCCGGACCTTGACAAAATTTATCCCAACCTCCTGCTACAACCTG
CTTTAACAGCTCCAATTGTTTCTGCCACCCCGGTTGATCCTTTTGGTACAGATTCATTGATGCAACCTGCACCAG
TCCTACAGCCTTCTACTCAGGGCACGGGTCCAGGAGTTGCGGCCAGACCCATTCCAGAGGACTTTTTTCAGAA
TACAATTCCTTCTCTCAGATTGCAGCTTCCCTCCTCCTCCTGGAACCTTACCTTTCACAGCTAGATCCAGCTTCT
CGTGGAGTTGACAGCAACAAGGTCTCTTCCAACCAAGGCCAACGCACCTGAAGTTAATGTTGGCTTTCCAGATG
GTGGTGTTCCCCCTCAAGCTTCCAGCAACCGGCTGTACCTTTTGAACCAATTGGACTACCTGATGGTGGAGT
GCCACCACAATCCTTGGGTGAGCCCACTGCCATGCCGCCTTCAGTTCAGCCAGTTCAGCCAGCACAGCCTTCAC
TTCCTTCACAGCCTATTGATCTCAGTGTCTAGGAGTTCCAAATTCGGTTGATTCTGGAAAGCCGCCTCCACCTC
AAGCAACTTCTGTGCGACCTGGACAGGTTCCCCGTGGTGCTGCTGCTTCTATATGCTTCAAGACTGGGTAGC
GCATCTAGAGCAGAATCATCTTTCAGATGCTCTGTCTTGTGTTTATGAAGCTTTTCTGGCACTTGCCAAAGACC
ATTCTCGAGGAGCTGATATTAAAGCTCAAGCGACTATATGTGCTCAGTACAAGATAGCTGTGACTCTTCTTCAG
GAAATCGGACGACTAAAAAAGGTACAAGGACCAAGTGCACTCAGTGCCAAAGATGAAATGGGCAGACTATC
ACGCCATTTAGGTTCTTTGCCTCTTCTTGCAAAGCATCGGATAAATTGTATTCGAACTGCCATAAAACGGAATA
TGGAGGTTCAAATTACGCTTATTCCAAACAGATGCTTGAACCTTCTTCTCCTCAAAGCACCTGCAAGCAAGCAA
GATGAGTTGAGGAGCCTCATTGACATGTGTGTTCAAAGGGGTTTATGAACAAGTCCATTGATCCACAAGAA
GATCCCTCGATGTTTTGTGCTGCCACCCCTCAGCCGATTGTCAACGATCGGTTATGATGTATGTGATCTTTGTGG
TGCTAAATTTTCGGCTCTGACGTCTCCAGGATGCATAATCTGTGGCATGGGAAGCATAAAAAGATCAGATGCT
CTTGCAAGCCTGTACCTTACCGTTTGGTTAACTAATTTGGACACTTCTTCTGGATGAACTTTCATGGTTTTG
GCCATTTCTGAGTTTGCTTCCATATTCCCAACAAAGCGGCTGAACAGATTGCATTTGAATAACTGCTCGATGT
ATTATATTATAGTTTGTATGTTTGTATGTGGGTTTCTTCTTTCTTTCCCTCCAATTTTGGCCTCCATTGTGA
TTGTTTGTGTTTAGTATAAGTTCCTTTAATTTCTTTTGTAGTAAATGATTTTATAGCGTTGTATCATTTTGTACATT
TCATTTACTGTAGTGATATTAAAGCATATTATTTATGAAGTGTTTTTTCCTCCTTTAACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12113NM_116494|Arabidopsis thaliana MLO1; calmodulin binding (MLO1) mRNA, complete cds

TGAAGAAGTTTGTAAACGAACAACGCTGAGCTTCAAACCTAGAGAGAAATTCGGGAGGATTTTCTCCCATTTT
TCTTTCGATTAAATTATCCGGTGACCCGAGTGAAGTGAACCTCAGAGAAGAACACGGAGCCGAAATGGGCGGC
GGAGGTGAAGGAACGACGCTGGAATTCCTCCGACGTGGGTTGTAGCCGCCGTATGTACCGTCATCGTTGCC
ATTTCCCTCGCCTTAGAGCGTCTTCTTCACTTCTCGGCAGATACCTCAAAGCAAGAATCAAAGCCGCTCAA
TGAAGCTCTTCAGAAAGTTAAAGAAGAATTGATGCTTTTGGGGTTCATTTCACTTCTGCTCACTGTATTTCAAG

GCACCATCTCTAAATTGTGTGTTCTGAGAGTTTGACCGAACATTTACTTCCGTGTGATCTGAAGGATAAACCG
AAAGCTGAACATGGTTTCGCCCTCAGGTGAAACCGGTTTCGTCAACGACGAAGCATTTTCAAACCTTTCTTTGTTTC
GAGTATTTCTGGTACGGCCAGACGGCTTCTTGCTGAGGGATCTGCTTCACAGGCTGGTTATTGTGCCAAAAAG
AATAAGGTGCCATTGCTATCACTCGAAGCATTGCATCATCTACATATTTTATCTTCATCCTAGCTATCGTCCAC
GTAACATTTTGCCTTCTACTGTAGTTTTTGGAGGATTGAAGATTCGCCAGTGGAAGCATTGGGAGGATTCTA
TTGCAAAAGAGAATTATGATACTGAACAAGTTCTAAAACCAAAAGTCACTCATGTCCATCAACATGCTTTTATC
AAAGACCACTTTTTTGGGCTTTGGTAAAGATTGAGCTCTTCTTGTTGGTTGCATTCTTTCTCAAGCAATTTTAT
GCTTCTGTAACAAAATCAGATTATGCAACGTTACGGCTTGGTTTCATTATGACGCACTACAGGGGAAATCCGA
AGTTTAATTTTCACAAGTACATGATACGTGCCCTTGAAGATGACTTCAAGCATGTTGTTGGAATCAGTTGGTAT
CTTTGGATATTCGTGGTTGTCTTCTTGTTCTTAATGTCAGTGGTTGGCATACATATTTCTGGATAGCATTCACT
CCTTTCGTTCTTTTGGCTGCTGTGGGAACGAAGCTGGAACATGTGATAACCCAGCTGGCTCATGAGGTTGCAG
AGAAGCACGTAGCAATTGAAGGTGATCTAGTAGTCCAACCGTCTGATGATCACTTTTGGTTTCAACGTCTCTGT
ATTGTTCTCTTCTTGATCCACTTCATACTTTTCCAAAATGCTTTTGAGATTGGATTTTTCTTCTGGATATGGGTTC
AATATGGATTGACTCGTGCATCATGGGACAAGTCCGCTATATCATTCCAAGGCTCATCATTGGGGTGTTTGTCTC
CAGGTTCTTTGCAGTTACAGCACCTTCCGCTCTACGCCATTGTCACTCAGATGGGAAGTTCTTTCAAGAAAGC
AATCTTTGATGAACATGTACAAGTAGGGCTAGTTGGCTGGGCTCAGAAGGTGAAGAAAAGAAAGGGACTTA
GAGCAGCTGCTGATGGCTCCAGTCAAGGAGTCAAGGAAGGTGGTTCAACTGTGGGGATTGAGTTGGGAAAT
GTTATGCGCAAGGCTTCTGCACCTCAAGAAATTAAGCCTGATGACTCCAAATCAAATGATCTTCTTAGTACAT
ATGGCTCCAAATCAACTCATTAAAGCTAAGGTAGCCAGCTTTTCTCTCTCCATTTTATAGAGTTGTATTATACAGT
AACCTCTATGCTTACCCCGTTCCGTAGGAGAAACGTCGAAGCTATTTGTTATACTGTAAAATTTTTACCTTGA
ACAATCTTATCCATGAGTTGTATCTTGTTTTCACATTGATAGTCTATCCTAGGCTTTTGTATTTGTGAATTGCGAT
GCTGTTTTTTCTTTAGGTTACCTTGTAAAGAGTATACAAAATGTATCATATTTGATGTTGTCTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTACAAACCCCCC
ACCCCGGGGGGGGGCCCCGGGCCCCATTCCCCAAAAGGGGGGCAATTACCCCGGGGGGGCCCCCTTT
TAAACCCCGGGCG

>trans_s_12114AY039573|Arabidopsis thaliana At2g43320/T1O24.6 mRNA, complete cds

TTCAGCTGTGAAAATTTCTTTCTTGACGTTGTATTCTTTTACTTTGATTGTAAACCGAACCCATATCTCTTT
CTTGTAACCTCCTGTGTTTCTCATGCCTATTCATATCTCTGACCATAATACTTTTCTGGGTCTTCAATTGTCTC
ATAATTTTCTTCATTTTCCCTTCGCCATTCCAAGTAGCTTCTGGGTATCTTTAATTCCTTGAGGTATAATGAG
AGCGCCATCACTACTTTCACAGTGCTTGCTGGCTTGTGCGCAAGATAAAGGAAGCCACAGCTCTCCCTCCA
TTTCAGAGAGAGATGTCCACCTCCCTCACCAGCTGTTGAGATTCTCCCTCAAAGACAGCTCATCCATACAAA
TATGCAGGGGAAACGTAGATTTGCAAGGTCTCAACGTTTTAAGGGTAGAGTCAGTGTAGCTGATATAATTG
GCTTTAACGGCTCGGAATCTACATCTTCAAAACCTGAAGGTGATCTGAAATCATGGGACAGTTCCATTGATCTT
GTAAATGTCCTTAAGCATGAGATTCGTGACGGACAACCTGAGCTTTAGGGGTAAAAGAGTACTTGAGCTGGGG
TGAGCTATGGACTTCCCGGGGTTTTGCTTGCTCAAGGGAGCAAGCATAGTGATTTTCAAGACCTGAGTG
CAGAACTGTTAGATGCACAACCATACCGAACGTCCTTGCCAATCTCGAACAAGCTCGGGACAGGCAGAGTA
GACAGCCAGAGAGTCCCTTAACCTCCGTCTCGACACACTTTGGCCCCATCAGTACATTTCTATGCTGGTGACTGG
GAAGAGCTTCCAACAGTTCTATCCGTTGTTAGAGGTGATGGATTGGAAGCACCCACTGGAATGAGCTTGAGTT
TCTCCGAAGAAGATTTTATGGATGGTTGCAGCAGTCAAGATGGCAGCATCATCGGCCACGAGTCTTCTCAAG
GAGATCGAGGAAGCTATCAGGAAGTCGAGCATGGGAGAGGGCTAGCGAGGCTGATCAGGGAGAAGGTGGA
TACGACATCATTTTAAATGGCAGAAATCCCATTTTCGCTTAACTCTTTGAAGAAGCTATATGCACTAATAAAAAA
GTGTGTGAGACCTCCCTATGGTGTGTTGTACTTGGCCACAAAGAAGAATTACGTGCGTTTCAACAGTGAGCA
AGGCATTTGAGGAGTTTGGTGCATGAGGAAGGCGTTTTTGGAGCTCACTTGGTGAAGGAGATGACTGACCGA

GACGTTTGGAAGTTCTTTCTCAAGTGAAAGAATGGAAAAAGAAAACAGGACAACTCTCGAAGAAACCATGG
AGTGAAGTCCATGTGCAGGTGCCTTTTACTACAACAGTCAAGTTTTATGTAATAATTTTTATCACAAAGCATAT
GTTTTTAAGGGAGTTTGCTTAAGTTAGAATGGGAATTGTTTAGTCAGTGGATCATTATTATTATACTTCTTTGA
TTGTATAATCTGTATTTTTCTTTCTTTAATTTCTTATCAATTTGTGAGGAATCTCCTTGCCAGTGCTGTAAATTA
AACACTCAGTAAATCAAAAGTTCAATGTTCTTATTATTTTATTTTATTATTATATATATGTATATGCTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCC
CCCCCCCCCAAAAATTAAAAAACCCCCAACCCAAGGGGGGCCCGAACCCAAATCCCCCAAAAGAA
AGACAAAAAACCCCCCCCCACGGCCCCCTTTTAAAAACCCCGGAACGAAAAACCCGGGCTTACCCAAAAT
AAACCCCTTGAACAAAACCCCTTTCCCCACGGGGGAAAAAAACCCCCCCCAACCCCCCCC
AAAAATTTCCACCCAAAAGGGAAGGGAACCCCGGAAACCCCAAAAAACCCGGCGGGGGGGGG
GATAACCCCAACGGGAACCCAAACATTTCCAGCCCCAACCCCCCCCCCTTTCTTTTCTCCCTTCTTTTCCC
CCCCGATTCCCCGTTTTCCCCGAAAACCTTAAAAACGGGGGCCCTTTAAGGGTCCAAATTTAGGGTTCCCG
CCCCCCCCACCCCAA

>trans_s_12115NM_113237|Arabidopsis thaliana ckl10 (Casein Kinase I-like 10); ATP binding /
kinase/ protein kinase/ protein serine/threonine kinase (ckl10) mRNA, complete cds

TCCCCAATCATCCAACTTTTGTTTCTCATCCATTTTCCTTCATTTTCTCGTTCTTTTCTTCACTCCGTCAAATC
CACCAAATATTCTCCTCTAATCCCCCAACAACTTCATCTTTCTCAAAAACTCAGATCCGAAGATCTCAATCTC
AGGAATGTGTGTTCTCACCTTTTTATTACGGATGGTGTTCGTCGTTTGTCTGCGTGATTCTCGTTTTAATGGA
ATTTCCGATCATTTCCATCATCTGCCTGGAAGGTGTGGATCAGAGATTAGAGGCAGTGTTTGATGATTGAAT
TAAGAATCGACGCTGTACTTGGATTGGGAAAGGAATTGTCTGAAGAGGAAGCATTTTTGTGGCATTTTTTTG
TATGGTGGACTAAATTTGAGTTGATTGATATATCAAGGGAGAGCTTGGTGGATTAGTTAATTAGGTCATGGA
GCATATTATAGGTGGGAAGTTAAGCTTGAAGGAAGATCGGTAGCGGATCATTGGGGAACCTTTATTTGGG
TACAAATGTACAGACAGGAGAGGAAGTGGCTGTGAAGCTGGAATCTGCAAGACCAAGCACCCACAGCTTCA
CTATGAGTCAAACTATACATGCTTCTTCAAGGAGGAACCGGTATCCCCATCTCAAATGGTTTGAGTTGAA
GGTGATTACAATGTATGTTATTGATCTCCTTGGGCCAAGCCTAGAAGATTTGTTCAACTACTGCAATCGGAA
ACTGTCCTTGAAGTCAGTTTTGATGCTGGCAGATCAGTTGATAACAGAGTTGAATATATGCATTCACGGGGT
TTCCTTCATCGTGACATAAAGCCGGACAATTTCTAATGGGGTTGGGGCGAAAGGCTAATCAGGTGTACATCA
TTGACTATGGTCTTGCGAAGAAGTATAGAGATCTTCAGACACACAAGCATGTACCATACAGAGAAAATAAGAA
TCTCACGGGAACGCTCGCTATGCAAGTGTCAATACTCATCTTGGAGTTGAGCAAAGCAGGAGGGACGATTTA
GAGTCACTGGGCTATGTGCTGATGTATTTTCTTAGGGGAAGCCTTCTTGGCAAGGACTGAAGGCAGGGACT
AAAAAGCAAAAATATGATAAGATCAGTGAAAAGAAGATGCTTACTCCAGTAGAGGTCCTCTGCAAGTCATATC
CATCAGAATTTACATCCTACTTTCACTATTGTCTGGTCACTGAGGTTTGAAGATAAACCTGATTATTCATATCTGA
AGAGATTATTCCGAGACCTTTTCATCCGTGAAGGATATCAATTTGACTATGTATTTGACTGGACTATACTCAA
TATCCACAGATTGGCTCCAGTTCAAAACCACGACCTAGTGGAAAACAGGTCACGCCCCAGGACCATCCGCCG
AAAGAGGGGAAAAGCATCCAGTGGGACAAGATATCCGAGATAGATACTCTGGTGGAGCAGAGGCATTCCGGA
AGAAGGAACGCCAGTGGGCATTTGCATGGTGATCATTCCAGACACAGATCTGATGATGTACCATCTTCCAAGG
ATGTGCAACCTGATTTCAGAAAGGGGCCGAGTAGTTATAGGAATGGAAGCATTTCAAAGAGGCCTGTTCTAT
CAAGCAGTCGACCAAGCTCCTCTGGGGAGCCAAGTGAAATCCGATCAAGTCGTCTGGTGTGAGCCAGTAGTC
GCCTATCTGCAGGCCAAAGGGTTCAACCTGGTTTTGAGTCCAAACGACAACCTTTTACCGTTCTTCAACTACA
AAAGGTGGTCGTGATGATACACTCCGGAGCTTTGAGCTGTTGTCTATTGGAAGTGGCAAGAGGAAATGAAAA
AAAGGATACAGATCAATGTGGGTAAGTAGTACTGTGTGAATGGTCAACAAAACACCCTATGTATCTTCTGTA
AAATGCCCCAGCTCTATGGTATTTTATATCAATTGAACATGTATATGTGTATCTCGATCATTAGTTGGCTCAGTT
CGTCCACACTATAAAATTTAATGAAATCTCCAAAAACATTGGGTTGGAAGCGAAAGCGAAA

>trans_s_12116NM_119661|Arabidopsis thaliana nodulin family protein (AT4G34950) mRNA,
complete cds

[illegible]

>trans_s_12117NM_123722|Arabidopsis thaliana meprin and TRAF homology domain-containing protein / MATH domain-containing protein (AT5G43560) mRNA, complete cds

GCTATTGCTTTGAAGAGGGCAAGAGGAACTCATTCGTGAAGAAGAGGCAGCATGGCAGGCTGAAAGTGAACA
AAAGGCTAGGCGATTAGCTTCAGAAAAGGATAAGAAATCAAAGAAAAAACAGGCTAAACAAAAACGTAACA
ACCGCAAAAGTAAGGATAAAGGGAGAGAAAGAGAAGGCCAAATTTGACTGCGCTGATCAGGGAACAAGTAAAC
CCTAGCAATGGGAAGGAGGAAGACACCATTGTGGATGAGGTCCAGCCCGTGGTTGAAAAGTCTGACATGCC
GAGGGTGGGTCAGATGTCTCTGATTCTGTTGAAGGCGCTAGTGAATTACTTCAGCCTGATTGAGGGACAGA
GATGCCAGTCCTGTCAATTGGGACACTGACACATCAGAAGTTCATCCCTTAATGGAAGCGAGTAGCAGTGGCA
TTAGCAGTCTATCTTCTGCCAAACACCCTTATCTGACAAGAAGAGCTTGTCTGTTATGGATGATAGCTCTTCTA
CGTGTCTACTGATTCTGTTCCATCTGTAGTCATGAACGGTCCCTATAAGGAGAATTCTTTTCACACTATATAA
GCAAAAATCACCTAGCGGTGGAAAGAATCAGCAAAAGGATGCAGCATATGATCGTAACAGTTGTACCAACGA
GATGGATAATCAGTCATCAGAGCTTCCAGCTGACATAGAGGACAGAAGTGATGTTTGCGGCAGTAACAAGCC
TAAAGAGTCTGATCCTGTGGTCATTAATCATTCCGTCCGGGGTAAAAATAAAAAAGGGTTGAACAGCAGGGAGT

TAACAAGGAAGAAAAGGTCGTTTCATTGCCAAAAGAGCGAAGCTCTAAAAACCAGGTTGATATGGAAAGGAT
ACTTAGAGATGCATCAACAGCTGTGCCATCCTCCCTTCAGAATCACCAGGATCATATACCACCAACTGTTGAAC
ATAAGTCGAGCAATCTGAGTGTTGCTGCTCTTGATTCCAATTAAGCATCATCGTCAACTAGTGAGACAT
CAGATGGAGAAGACTGTGCCTGTAGTTACCTCATCCTATGTTGTAAGTGCAGTAAAAGCAGAGGCTCAGAAG
TCTACAATTCCAAAACCAACTGAAAAGGCTTCGGCACAGCAAGCTCCTATGATGTCAAGGCCTTCTAGTGCAC
CTCTAATTCCTGGTCCAAGAGCTACAGCACCTCTTGTTAATGTAGTCCATACATCCCCATTGCTTGCCCGTTGAG
TGAGTGCAGCTGGCCGGCTGGGTCCAGACCCTGCTCCAGCCACACATAGTTATGCTCCCCAGTCCTATAGAAA
CGCCATAATGGGCAACCACGTAGCTCCGAGCACTGCAGGATATGTTTCATCTGAGCACCTCAACTTCAGGCGTC
AGTCCATCAACTGCCTTCTCTTTGGCATCTGCTATGGTTTCTTACCCATGTATGTACCACACAGCTCTGAGAGG
TTAGATCCAAATGCTGTTAGATCTACTTATCCTTTGAGCATGGTAACTCGAGATGTCTTACCAAACAGTCCCCA
GTGGGTGGAGGGTTCACAAAGGGAACTGTTAGGAGCATGCACTACAATTCTCCCTTCTCAATGATGTTCAA
GATTTATACAAGAAGCCGATTCTGTTTCAACCCCTGATGTCCTATCCGAGAGTTCCCGGCTGTACGTCTGG
TCGCCAGCTCCAAGGTTTTGCAGAGGAGTTCCTCACCTTGATATAATTAACGACCTCCTTGATGATGAAAATA
TTGTTGGGATTTCTGCCAGAGACAACCTCAATGTTCCAGTCTCTGGGAAATGGACCTACTCTGTTGAACCGGCA
GTTCTCACTACCTGGTGATATGGGGTGGGATGGCTGGCGATGTAGGGTCTCAACAAGCTCTTGAGGTTTGA
GCGCACACGGAGTTACCATGATTGGTGGGTTTCAACGGGGATATACATCTTCCATCAGTCATTATGAACCCAA
CATGGATTTTATTCCACCATCCAGTCAACAGCAACACTTGAAACGGCAGATCGAATGGGTTGGGTCCA

>trans_s_12118NM_113143|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein
(AT3G22440) mRNA, complete cds

GTCTTCTCTTCTCTTCTTTTTTCATACGCCCTTTCTCTCTCCACTCTCTCCCTCTCTCTCCGTCGTTGAGCCTCCC
CCGCCCCCGCCGCGTTCGAGAAACAGAAGCAAATGGGGACGATCTCCGATCCCGGAGAGTTGAGTGAGTTG
ACTACCCGAGTTTTGATGAGTTCCAAAGACAAACGTCTCTGATGACTAGCTGTACTCTGCTTTGGAAGGAACT
ATCCGATCACTTCACTAATCTGGAACAAGATCTTCTTAAGAAATCGGAGGCACTGAGGCATAAAATTCAAACC
CTAGACCATCAGACTAAGGAGTCTCTTGATGAGCTAGAGAAGCGTGAGGTTAGTATCCAAGGTAGTGTTGAG
ATCGCGCTAGGTAAGGTTGAGAAAAGTATGGAAGCAGCGCTTAAAGCTCTTGAGAAAGACGGTGATGAGAA
TGGTGAAAGTGGATGATGATGATGGACTGTTGTTGAAGCTGAAATCGTTCTGTTTAGAAATGGATTCTGGTGGT
TTTTGGAGGTTTATCACTGGTAAGAAGAAGGAATTGGAAGCACTGAGGGCTAAAATTCATCTGGCCTTAGCTG
AATGTATCGATCCGCCAGATTCGTGCTGGAGGCCATCTCGGAGGTGTTTCCACTTGATAAGAGAGGGGAAA
AAAGTGATGGTGGAATGATTTGGGCTGGGCTGTGTTTTAGTGCTGAATCCCTGATTCCAGTTGTTGTAGA
CCCTGTGATCGGGAAGTCGAGGATTTTGGTTACTCCAAGCATGAAAGAGCGCGCTAAGGAGATTGCCGAGAC
TTGGAAGGCGAGCTTAGAAGAACGAGGTGGTATCGAGAATGTTAGAACACCGGATGTCCACACCTTCTTGCA
GCACTTGGTTACTTTTGGTATTGTTAAGAGGGAAGATGTTGATATGTACAGGAAGCTTGTTGGTTGGATCGGCC
TGGCGGAAGCAGATGCCTAAGTTGGCTGTATCACTTGGCCTTGAGATATAATGCCTGATATGATTGAAGAAC
TAATCAGCCGGGGACAGCAGCTTGATGCCGTGCATTTTACATATGAAGTTGGACTTGCGGATAAGTTCCCCC
TGTCCCGCTGCTGAAAGCTTATCTGAAGGATGCCAAGAAAGCTGCAGCTGCTATTTCCGAAGACCCAAATAAT
ACTGGCAGAGCAATGCACCTTGCTGCACGGAAAGAGCAGTCTGCACTCCGAGCCGTTATCAAGTGCATTGAA
GAATACAAGCTTCAGGCTGAGTTCCCTCCAGAAAACCTCAAGAAACGCCTCGAACAGCTGGAGAAGGTGAAG
GTAGAGAAGAGGAAGCCTGCTCCAGTCCCTGCCAACAAGAGAACACGAGCAAACAGCGGCGGTCTATGCCT
CCTGCCAAGGCTGGTCGTTTGACGAATGCATATGTCTCATCATACCCTGCAGCTCCTGCATTTGTGAGGTCTCC
CTCACACACTCAATACCCTGCTGGTGTCCACCTTACCATTCCCCACCCTCAATGTATGGCAGCAGAAGCCAC
CAACAAATCCTTACCTTACTACCGGAAGCTGCACCACATGCTGGATCGTTTCCATCACCTCCAATGTCGTATC
CTGCATACGGTGGTTATGGGAATGCAATGGCCCCAGCATATCAACCAGCTTACTACCGATAAACAATGACTGA
TCTCTGAAGATGGTAACTGCTGATCTTGATGACTCCGATCTTGTTGTTTACTTTCCAATGGTTTGCTGTAATA
CCTAACCATTAAACAAGTAGCCATGTATGTGTGTTAATTGTGACTTGTTATGCTTCTTGCTTTCTGTGCTGAGAA

GCCAAACTCTAATGTTGATCAAACCTTAGCTGTAGGTTGATCGTGCAAAGTTATTAGGATGACCACGACACAA
CATTATTAAGTAGATCCTAATGTCATATGGTCTTTAGTTGTAGAAAGGCTTGTCTATTGGTTTTATTAATCTCT
TAGTCTCATAACTCGATCATGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12119NM_001066021 | *Oryza sativa* Japonica Group Os07g0423000 (Os07g0423000)
mRNA, complete cds

ACTTCTACGTTGCCTTTACCCTCCGTTTCTACCATCCAATTCCTCACAAATTCATGTGGCCTTTTTTCAGCATCGC
CTACTTCCAAAGGTCGAAAGCTCCAATTCCATGAAAAAACATCCAGGAGTATGAAGCCGTTATCTGTTATTTT
AAATCACATGGATTCGAGAATTCACATATCGCCAAGTTGGTCTCGAAGCAACCTTCAATCCTTCAATCCATAGT
ATCCACCAATCTGAAGCCTAAATTTGATTTCTCCGAAATCGGGATCGTCGGTCTTTACTTCTAAGGTAATTT
TATCGAACCTGGAATCTTTTTAGGAGCGTAAATTTTCAGTTGAAACCAACATTTCTGTCTATAAAGGAAATG
CTCGAATCGGATGAAAAGGTAAGTGTGCTATTTGTCGTGCTTCGTGGATTCTAAGTGCTAATTCTAAGGGTAC
TATGCGATCTAACTTTGATGTTTTGGTCAGTGAAGGAGTACCTTCTACGAATATAGCGAAAATGATTGCATTGA
ACCCTAGAAGTATTATGCGAAATGTTGGTAGAATGATTCATGCAGTGAAAACGGTTAAGAATTAGGCGTTG
AACCAAAGGATCGTGCGTTTGTATGCAGTTAGTGCAGTGGGTTCTATGAATCATTCAAGTTGGAAGAAGAA
AATAAATGTTATGAAGAGTTTAGGATGGTCTGAGAAGGAGATTTTACAGCATTTAAGAGATATCCACCTTAT
TTAATTGTTTCAGAGGAGAAAATGAGGGATGTTGCAGATTTCTTTTCCAACACTGCAAAGTTAGATCGAGGAA
CTCTAATTACTTACCCTGTATTCTTCAAGTATTCAGTCGACAAGCGACTCCAACCGAGGTACAAAGTTTTTGAG
GCTTTGACTGTGAAAAATCTGCTTAAAAACAAAAACATTGCTCGGTGGTTTATACAAGGGGAGAGAGAATTTG
TGGAGGAAAATGTAGTTAAGCATTTGGATGAAATCCCAAATCTGATGGACATATACCGGGGCAATGTCACAG
CCGAAACCAAACTGTTCTATAGGATTGGAAAGTTGTAAGTTAAAATGTTCTTGAAGTCCAAATTTGAGCATC
ATGAACTTTAAAGGGGAGAGCATTTTTGTGGTTATTGAGCCTACTGTTTCAGATAACACTGCTTCTTGAGATTT
TCAAGATCTCTCTGTATTTTCAGGTGGGAGAGTTGTGTTGTTTTGCATCCAAATCAAGGCAATTAGTTAGG
TAAATCTATTTGGTGTGTATTTGTTTCAGAGACATGTTAATCTTGAAGTTGGAGGCCTTTTTGTTTTCCCTTCT
AATGTTTTACTCTTTCCTTGAACATTAGTATGTTTGTAGACTAATTTTGAATCCAATGATGATGTTGAAATGGGA
TGAGAGACACGAGACTTGTAGATAAACTTTCTGCTTCGTCTCTTTTAAATGTAGAGGAGATTTGGATATTGTAGT
AGAAGGGATGTAATACACAATACATATCCATCTCATCATAATTCTTTTGCTATTCCATATAACAATCTTATTTCC
ACAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCAAAATTTTTTCAA
ACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGGCGGACCCCATTTCCCCAAAAGGGGGTCAAATTACCCCCCCCCCGGG
CCCCCTTTTAAACCCCGGGGGGGGAAAACCCCGGGGTTTCCCAATTTAACCCCTTTGGACCAATCCCCCTT
TTCCCCGGGGGGGAAAACCAAAAGGCCCCCCCATTTCCCCCTTCCCAAATTTGCCCCCCGAAAGGGGA
AAGGGAACCCCCCTGAAGCGCCCTTAAACCGGGGGGGGGGGGGGGTTACCCAAGGGGGACCCCTACT
TTTGCCGGCCCCAAGCCCCCCCCCTTTCTTTTTTCC

>trans_s_12120NM_001161237 | *Arabidopsis thaliana* glycine-rich protein (AT5G11700) mRNA,
complete cds

ATTTGTGGATGAGATCAATGCTATAGCAGCATATCAATGGTGGGAGGGTGCAGTATACAGCATTCTTTCTGCT
CTTGCATATCCTTTCGTTGGTCATGGCGACAATGGCGTCGAAGGCTGAACTGCAACATCTACGTGAGTTTG
TAGGTCAGAATATGATCATGCTTGCTTGCATCTTGCCTCTCTGCTCTTTATGAAGGCATTAAGGTTGCG
GCAACATCCGATCTAATGCTTGCATTTGTGGACTTCTTTCTGGGTGGAGACGAAAAAGAACCGATCTTCTCC
TCGTTTGAATCAAAGATTTCCACTGGCTTTACTCTTTGGAGGCGATGGAAGTTACATGGCTTCTTTTTCACTTCA
TAACGACAACATTTCTACTAGTCTCATGAGCCAGGTTCTACCACCTACAACATGGTACCGCATGGTTGCTGGCC
TGAATGCACAGTTACGTTTGGTTCGTCGTGGTCAGCTTAGATCGACATTTTACCTGTTGTTAGATGGCTGGAA

AATGTTGCAAATCCTGCTTTGAGGAATCATGGCATTCTGTGGATCTTGCGTGGTTTCAGGCTACAACCTGTG
GTTATTGCCAGTACGGTCTTCTTATATATGCTGCTGAAGACATCAGTCCTCCGGCCATAAGAAGTTATCGTGAA
TATGAACAATATGATCAAATTCACGGGTGAAGAACATTCCAAGAGAAAATCAGTCCCTCCTTTCGAGGGAAG
AAACACGTATAAGACAAGATCATATTTCCAGTGAAGGCCATGCAAGGCGAAAGAAGTCTTATGGGGGCATTT
TAGATGTCAGCAGTTTACAAATGCTCCAGGAGAAGAGAAGTATATCTTGCGTTCTATCTTATGTGCTTCACGAC
ACTAAACCTGTTGGCCACCAGGATCTTGTTGGTTTAGTCATATCAATGCTGCTACTAGGGGATTTACAGTTGGT
TTTGCTTACGCTGCTCCAGATGTTTTATTCTCATTGGCAGACGTTTTCTAGTCTTGTTATTTTGCCGCTCGGC
ATTCTCCTTCCATTCCCTGCTGGAATCAATGCCTATTTAGCCAAGGACCTAGGCGTTCTGCAGGCCTCGCCCG
CATCTATGCATTGTGGAACATCACATCCTTGGTCAATGTTTTGGTTGCATTTCTCTGTGGATATGTTCACTCAAA
ATCTCAATCCTCGAAACATCCAAGCTATCAGCCATGGACTATTAACATGGATGAAAGTGAATGGTGGATCTTC
CCAGCGGGATTGGTTGTTTGTAATTTTTCCAATCCGACTCATTAATTGGCACGTTGCGAATCTCGAGATCCA
AGATCGATCCTTGACAGTAACGAGTTCGATATGTTCTGGCAGTCGTGATGATTTTTATTGCTCACCTTGATGA
CAGACTCTATTTCTCCTACCTGTCTTTTTTTCTGGGGGAGGGAAAGTTCTTTACCACACATGGGTTTGCTCG
TAGGCAGGCAGGCAAGCAAGCTAGCAGGCGTTCTTTCTACCATTTATCCACACACTCAAATTTGACTCTTA
GGCCAGAAATAGATAACAATCAATATCAAAATCAAATCTTAATTTAAATCCAAACAAAATAGATAAAAAAAG
AAAAGAAGAGGCGTTCACAATTGTAATCAAATCCATTTTGTTTTTCTTTCTCTTAAAGACCAGCATCTTCT
TTTCTTTTCTCTACTTCTTTTGTCTACAGTGTGTATATAATTTGGGATTGTTATTGCCCTTTGAATCCCATT
ATGTACCCTCTTTTCTCAATCCTGGGGCTTCACCATTCTAATTAAGTACTAGATGATTGATATTAAGGTCAT
TTTTTTTCACTGTAATAACCTCAGTTACCAAATGAAATTGTGTGAATTGATAATTCTGAATCTTCATATTTTCC
CATCTCATTTTGACATTCATGTTCCAACTTTCATAGTTTCAGTTTACATGATCTGAAATTCTTGATTTAATTCAA
ACTTTGAAGAAGCAAAAA

>trans_s_12121GU393308|Vitis pseudoreticulata DRE transcription factor 1 mRNA, complete cds

AAGGCGAAATTCATACTACGCTCATACACCCAAAAGAGGGAAAATAATTTCTCTCCTCTCCCTTCTTTCTTT
CAGTCTGCAATTATTATCTTCTGTTCAACTTCTTCCATTTTCCCCCTTCTCTAATTTCCCCGCTTCTCTGATTTCCC
TTTCTGTCATCATCTTCTGTTTTCTACACCCACTTTTTGAAATTTGGATTTCTTTTCTTTTTTTTTTTTGAA
TTCTGCATTTTGTGTTGTAGACCCAGAAGGCTGGTTCTTTGAAGTCAGGTGATTCTGAATAGGGATCCAGATTT
CTCTGTTTCTTTGGTAAATATTTCTGTTTTGATCGGCTTCGAGGGTGTTTTTTTGAGTCCCTCAAGTTGATTGT
AGAAACAACTTGTTTTCTTGTTCTGGCTTTTCTTCTCCTTTTCTTGAAGTAGAATTTGTTTTCTTGGGATCTTT
TAACACTTTGTTTTGCTAGTTTTGTAAGTTTTTGACAATTCACATGGCAGCAGCTATAGATGTTTACAGTGGA
CTTCAACGCCGGTTTACTATTGCGATCCTTTTAGCGAAGAATTAATGAAAGCACTTCAACCTTTTATGAAAAGT
GCTATTTCAACCTCTTCTCCTCCTCCTCTTCTTATTCTCCTTCTCCTTCTCCTCCTCCTCATCCTTCTGTTTCTT
CTCAGCCTAGATTAATCCCTGATTTTTGCTCCCCGTCAAGTACCCGCTTGTTTTCTCAAGGGTCTCGGGAATTG
AACAAATGGGTTTTGAGCAATCAGGTCCAATCGGGCTAAACAATCCCACCCCTTCTCAAAATCTCCAAATTCAA
GCCCAAATTCAACTGCCCTACCAACTATGTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAATCCCAATACCATAA
CTTCTTACCCCCAAATCTTTCCCATGAAACACATCGGCTCTCCACCTAAACCTACAAAATCTATAGGGGAGT
CCGGCAGCGGCACTGGGGGAAATGGGTGGCTGAAATCAGACTCCCCAAGAACCGAACTAGACTCTGGCTTG
GGACCTTCGATACGGCCGAATTCTGTTCTTTGGCCTATGATCAACCTGCTTATAAGCTCCGTGGGGACTTTGCT
AGGCTCAATTTCCACATCTCAAACACCAATTCGGTGACTTCAAACCTCTTCATCCTTCTGTGGACGCGAAGCTT
CAATCACGGGTGACTCGCTTGAACAGGAGAAAACAGAGGTCTGTTCTGTTGAGGATGAAAAACCAACGACC
ATTCCACTTCATCCGAATCAAATCAACAGTTAACAATTTCTGGGAACCAGAACTGAAAAGCAGTGGAAGACC
TCATTTTCATCTTCATCCTCATCTCCTTACGGTCTGAAGATTATCCACTTCCACCGGATCTTCCCCTGATTCAA
GTATCAGTTTCTTGGATTTTTAGATTCTCAATGGGGTGAAGGAGTAGAAGCATTTTGTTTGAAAAGTTTCCT
TCCATCGAAATCGATTGGGCAGCCCTGAGTCAGCTGGCCGAATCAGAGTGTTAATTAGTAATGTTTTCAATGT
AATTTGTGCTTTTTGATAATGTTTGTCAACTTTGTTACAAAGATTCTGCAATGAAATTTTAGGCATTTGCAGAGT

TCTTGTGTTAAAAAAAAAAAAAGTTTAGGAGTCAGTCCATGAAAAAGAATCCTCTTCAAAGAGATTTGTAG
TTCGTCTTTAATGGGTTGTATTCCATTTTGGTCTGCAGGTTGTTTTTCTCCCTTGCATGGCCATTTTGGATGTT
GAAAAAAAAGATGTAATTATGCACTTTGTGTTTTAATACACATGCTGGTCTCCTTGTAGTCCCTTCTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_12122AJ132580|Hevea brasiliensis mRNA for enolase, isoform 1

AATTGCAATCAAACCACAACTCTCTCTACTGATCTGCTGCTGCTGCTCCCCATTTCTGTAGATCTAAACTTTTTAT
CTCATTCCAAATGGCTACAATCCAATCCGTC AAGGCTAGGCAGATCTTCGACAGCCGTGGAAATCCCACCGTC
GAGGTCGATATCGTGTTGTCTGATGGAACCTTGCCAGAGCAGCTGTTCCGAGCGGTGCATCTACTGGTATTT
ACGAGGCACTTGAGTTGAGAGATGGAGGATCTGACTACCTCGGCAAAGGTGTTTCGAAGGCTGTTGAGAATG
TCAATGCTATTATTGGCCCTGCATTGGTTGGAAGGACCCAACTGAGCAGGCTCAGATTGACAACTACATGGT
TCAACAACCTCGATGGAACCGTTAACGAGTGGGGATGGTGCAAGCAAAAGCTTGGTGCAAATGCCATACTCGC
TGTGTCTCTTGCTGTCTGCAAAGCTGGTGCTAGCGTGAAGAAAATTCCTCTTACCAGCACATCGCCAACCTTG
CTGGTAACAGCCAGTTGGTTCTCCCGTACCTGCATTCAATGTCATTAATGGAGGATCGCATGCAGGAAACAA
GCTTGCAATGCAGGAGTTCATGATTTTACCAATTGGAGCTTCTTCATTCAAAGAGGCCATGAAGATGGGAAGT
GGAAGTTTACCACAATTTGAAGTCTGTCATCAAGAAGAAGTATGGGCAGGACGCAACAAATGTTGGTGATGA
AGGTGGATTGCTCCTAACATTCAGGAAAACAAGGAAGGTCTTGAATTGCTAAAACTGCCATTGCCAAAGCT
GGTTATACTAGCCAGGTCGTTATTGGAATGGATGTTGCTGCATCTGAATTTTACGGATCAGACAAGACCTACG
ATTTGAACTTCAAAGAGGAGACAATGATGGGTACAGAAGATTTT CAGGAGATGCTCTCAAGGACCTCTACA
AGTCCTTTGCCTCCGAATATCCTATTGTGTCTATCGAAGATCCATTTGACCAAGATGACTGGGAGCACTACTCA
AAGATGACCAGCGAAATTGGAGACAAAGTACAAATTGTGGGAGATGATCTCTTGGTCACCAACCCCAAGAGA
GTGGAGAAGGCAATCAAGGAAAAGACTTGCAATGCCCTTCTTCTCAAGGTTAACCAAAATTGGATCTGTACGG
AGAGTATTGAGGCTGTAAAAATGTCCAAACGTGCTGGTTGGGGAGTAATGGCCAGCCACCGAAGTGAGAG
ACAGAGGATACTTTTATTGCTGATCTCTCTGTTGGCTTGGCAACGGGCCAAATCAAACTGGTGCTCCATGCA
GATCAGAACGTCTTGCTAAGTACAACCAGCTGTTGCGTATCGAAGAGGAGCTTGGCTCAGCAGCAGTCTATGC
TGGAGTTAACTTCCGCAAGCCTGTTGCACCGTACTAGGAGGTCACACTGGACCGGAGGAGTGGTGAAGGTTT
TCAATCGATCTCAGTAATGCAGTGAATAAGTGTGCGGGACTGGTTGTTTTGTCGAATTCAGAGATCCCTTTTT
CCCCTTAATAATTT CAGAAAAGTTTTGTTCTGAGAGGTTGAACCATAGTTTCGAGAAGTTTTAGTAGGAAGACA
TGATATTGACATGTCTGATCCATCGGTAGTTGCATAGACTTAATTTTAAATGAATGAACGAATGAATGAGTGCC
TTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAACAAAAAACCCAGGGGGGGGGCCCGCCCCCAATCCCCTAAAAAGGGGCCCAATTCGGGGGGGGCC
CCGGGCCCCCTTTTCCCATAGGGGGGGGGGAAAACCCCGGCCCTTCCCCCCTTATTTTCC

>trans_s_12123NM_102845|Arabidopsis thaliana UDP-N-acetylglucosamine pyrophosphorylase-
related (AT1G31070) mRNA, complete cds

AAGCTCAAAACCGAACCTACACCGACACTCAAATCTCAATTATCATTATCCACATTTTCAATTTCCCTCACAGA
TCTCTACTTTTCTGTTTCATGGCGGAGCCAATGGCTGTGGTTCGTTTCGATGCCAATGCGCCGTTGACGCCAC
AGCAGCAACCGCCACAGCAGCTGCTTCTTCAACAACCACCTCAGGCTTTGCTTGAGCGCCTCAAGGATTACGG
CCAGGAGGATGTTTTTGTCTTTGGGATGAGCTCTCCATGAAGAGCGGGACCTTCTTGTC AAGATATTGAG
AGTTTGGATCTTTCCAGAGTAGATCGAATTATTCGATGTTTCGTTCTCAAGGGCTACCTGCGGCTGCAAT
TGAACCCGTACCAGAGAGTTGCGTGTGACGCTGGAGGAGCGAACCCTTGACGAAAGAGAGAGATGGTGGA
AGACGGGGTTGAAGGCCATCTCAGATGGAAAGTTGGCTGTTTTGCTTTTATCTGGTGGTCAGGGAACCTCGGCT

GGGCAGTTCTGATCCTAAAGGATGTTTCAATATTGGACTTCCATCGGGGAAATCCCTTTTCCAACCTTCAAGCTG
AGAGAATTTTGC GCGTTCAAAGATTAGCTGCCAAGCTGCAACTGATAATTCTATCAGTTCTGCTCCAATTCAT
TGGTATGCGATGACCAGCCATTTACCGATGAGGCCACTCGCAATTTTTTTGAAAGTCAGAAAATATTCGGTTT
GGAGGCTAATCAAGTCACCTTCTTTGAGCAGGGCACCATTCTTGTATATCCAAGGATGGTAGATTTGTGATG
GAGACACCATACAGGGTATCTAAGGCTCCAGATGGGAATGGAGGAGTATATGCAGCTTTAAGATCCTCACAC
TTATTAGAAGATATGTCAGCAAGAGGGATTAAATATATAGACTGCTATGGAGTAGACAATGCATTAGTTCGCG
TGGCTGATCCAACATTCTTGGGTTATTTCAATTGATAAAGGTGTATCTGCAGCAGCCAAAGTTGTTTCGCAAGGCA
TATCCCAAGAGAAGGTTGGCGTATTTGTCCGACGAGGTAAAGGGGGTCCGCTCACTGTGGTTGAGTACAGT
GAATTGGATCCGTCACTGGCTTCTGCTATCAATCAAGTAACTGGGCGCCTCCGTTTCTGTTGGAGTAATGTGTG
TTTACACATGTTTACACTGGATTTTCTAAACCAAGTAGCAATGGTCTTGAAAAGGACAGCATCTACCATCTGG
CGGAGAAAAAATTCCTTCCATTCATGGTCAAACGATGGGACTAAAAATGGAGCAGTTCATATTCGATGCATT
TCCCTATGCTCCTTCTACTGCATTATTTGAGATCTTACGAGAAGAAGAGTTCGCACCCGTGAAAAATGCCAATG
GGTCAAATTTTGACACTCCAGATAGTGCTAGACTTCTGTTCTCCGACTTCATGCTCGGTGGGTGGTTGCAGCT
GGAGGATTCTTAACACATTCAGTGCCCTTATATGCAACTGGGGTGGAGGTATCACCACCTTTGTTCTGATGCTG
GAGAAAATCTAGAAGCCATATGCCGTGGAAGGACATTCCACGCACCTTGTGAAATTTCTTTCTAGTACGAGTC
AACCTTTCAAATTTTTATTTGTGAGTCATCGGCTTTATTATTTTAGAGTTAGCATCGAAAATGAGGTTCTGACTT
CGTTTTACATTTGTGAGATATAGTGTGCATTATTTATTGCTTTGTGACATCCAATAAGTGTTTCTTCCGTTGTGT
AATATTATATTTCCCTAAAGACCATCTAAATTTGTGTGTGGTTTTACTTTTTAGTCACCATTCTTCTAATTACTAT
CACTTCACCCGATACTCAAATGTACGTAATTAACACTCATATGGTACCATATTTATAGCCATTGGAAATAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12124NM_105206|Arabidopsis thaliana CBS domain-containing protein (AT1G65320)
mRNA, complete cds

ATACCTTCAAGTTTCCACATCACTCGTTGATTGCCAACTCTGTTTTGCCTCCTCCTTCTCTTCTTCCCAATAATTC
AATATTCACCATTTTTTCTCCTTCTCTTTGTCTCTTTCTAATCACCAAAATGACCCGTTTCTTCTGCCTTGATTGA
TCAAGCTACCCACTCACTGTTTCTTCTCTTGTGTGTTGTTGGGTGGTGGGTTGAGCTGATTGGTCGATTT
TTCATGGGCATTAACCTTTGTACCTTCTTCCACCTCCTTCTTCTGTTCTTCTCATCAATGGCGGATTATTC
CCTCTTCTCCTCGTTTTTGTGAGTCTCCATAGATTGCCTATTACTCGATTTGATCTTTTGCTTATCTTACTTCATTCCC
TTTTATAGCTTTTGCCTCTTTCACCGGGTTTTCCGGTTTCTCTCTGTCTACCGTTCAGTTCGAGATTTTTTTAG
AGTTAACGAAGCGAACCTCGAGAGGTGAAGAGTTATCATGGCATCTGTGTTTCTGTATCATGTGGTTGGGGAT
CTGACAGTAGGAAAGCCAGAGATGACGGAGTTTTATGAGACGGAGACGATTGAAACAGCGATTAGGGTGAT
CGGAGAGTCGACGGAGTGTGGGATACCAATTTGGAAGAGGAAAACCTCATGTGGGAATTATTGAGAATGCTG
AAATGAAACAGCAGAGATTTGTGGGAATTCTCTCTTTGGATATTGTTGCATTTTTGGCTCGAGCCGAGAAT
CTAGAGGATCAAGAAAGGGCAATGAAGGCCCGTTTCCGAGGCTGTTGTTGCCAATTATTATTGTTGAGG
CAGGCGGATCCTGCAACAAGATTGATTGACGCATTGGAAATGATGAAGCAAGGCGTGAGGCGTCTTCTAATC
CGAAAAAGTGTGGTATGGAAAGGAATGAGCAAACGTTTTCTATTCTCTATAATGGTAAGTGGTTGAAGAAC
ATTGATAACCCTGGCAATAGCAGCAATAACCTCAATTTAAGTCCTAACCGCCCATCATCGTCTTCCACATCCACC
GGTCACGATAAGTTTTGTTGTCTCTCAAGAGAAGACGTCATCCGTTTCTTATTGGTTGCCTCGGTGCCCTTGC
ACCTCTCCCTCTTCTCCATCTCTACTCTAGGAGCCATCAACCCAACTACTGCTCAATTGATGCCTCAACCCCT
GCGATCGATATTTCTCATAAGCTTCTGATGATCCTGTTGCAGTTGCTGTTGTAGAAAACATACATGACAATCA
ATACAGGATAATTGGAGAGATTTGAGCCTCCAACTCTGGAAATGCAATTACTTGGCTGCTGCTTGGGCTTTA
GCCAATCTTTCTGCTGGGCAGTTTGTGATGGGAGTAGAAGACAACATGACCTCACGAATGGTCCCCGATCTAT
CCGCTAATGGTAACGTTGGTGAGAACGACTCGGCAAATGGTGGTGGAGCAACTCGGGCAAGGAAATTCAGC
AGTAGAAGTATTGGATTCAACCCGTTGAGCCCAGCATTACAGGATCAGTCGGAGCATGTACCGGGGAAGAAGT
GCTCCCTTGACATGTAAAGTAACAAGTTCATTGGCTGCCGTTATGGCTCAGATGCTTTCCCATAGGGCAAGCCA

TGTTTGGGTTACTGAGGATGAAAATGATGATATTTTGGTTGGAGTTGTGGGCTATGCCGATATTTTAGCTGCT
GTTACTAAGCAGCCTACGTCGTTTATACCGGCTAATCGATCCTTTGAGGCGCTTGGAAATTCTATTCAAAGCTA
ATATTTTCTCTCATCAGATTCTACTGCTCTTTGTACTTACTATACTTATATATAGATGTGTATACTGCTCTAAATT
TTTTTGACAATTATTGTTAATGGAATTCCTCCTCTCCACAAAACAACATTTTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12125AY070230|Glycine max mitogen-activated protein kinase kinase MAPKK2 mRNA,
complete cds

AATTCTCTCTCTCTACAAATCATAGAATCATCGCAAAAAGCTTCAATTCCACACACGGTTGTAGTCTGAAAG
AGATCAGCCATCAATGAGGAAGGGAGGCTTCAGCAACAACCTCAACCTCAAGCTCAATCTTCCTAAAGAAGA
GCAATCCATAGCGACGTTCCCTAACGCAGAGTGGTACGTTTAAAGATGGTGATCTGCTTGTAACAGAGATGG
GGTTCGGATTGTTTCTCAAAGCGAAGTTGAAGCACCACTCCGATTAAGCCTACAGATGATCAGTTGAGTTTA
GCAGACATAGACATTATTAAGTCATTGGAAGGAAATGGTGGTACTGTGCAATTAGTTCAGCACAAATGG
ACTGCTCAGTTTTTGCATTGAAGGTAATTCAGATGAAAATTGAAGAGTCTCACCGCAAGCAGATTGCACAAG
AACTGAAAATCAATCAATCAGCGCAGTGCCCTTATATTGTTGTCTGTTACCAATCTTTTTATGATAATGGATCAA
TATATATCATCCTAGAGTACATGGATGGAGGATCTTAGCAGATTTTTTAAAAAGGTTAAAAAATTCAGA
GCCATATCTTGCTGCCCTTTGTAAGCAGGTGCTGAAGGGGTTGCTTACCTTCACCATGAAAGACACATCATCC
ATAGGGACTTAAAGCCTTCAAATTTATTAATAAACCATAGAGGGGAAGTCAAGATTACTGACTTTGGTGTGAG
TGCAATTATGGAAAACACATATCAAGAGGCTAATACTTTTGTGGCACGTATAACTATATGTCCCCAGAGAGA
ATTGTGGGGAGAGGGATATGACAATAAAAGTGACATTTGGAGCCTGGGTCTGATATTACTTGAGTGTGCAAC
CGGAAAATTTCTTATTCTCCACCTGGGCAAGATGAAGGATGGGTTAATTTTTATGAGCTTATGGAAGCCATTG
TTGAAGGCGAACCTCCTTCTGCTCCAGCCGACCAATTTACTCCTGAATTCTGTTCAATTCATTTCTGCATGTGTGC
AAACAGACCCAAAGAATAGACTGTCAGCACGTGAACCTTTGGAACATCCTTCATCAAGATGTATGAAGATAG
GGATATTGACCTATCATCTTACTTCAATGATGCAGGATCTCCACTTGCAACTTTCTAAATTTTATCTGTTGATCG
TCTCTGGCTCGTACATTGGAATCTTATTTGTTTGCTGCTTGAAGGATGGACGAGGAATATGCTGGGATCTCG
GTTTCTCATGAATGCTGCTTGTTTTACTTCAGTTTGTGTCTTAATGAAAGAGGTTTCAATCAAACTGGATGATA
TAGTTGTTCTATGCTGGTCACGAATTTGGATGGTTCTGATCCTTCTTGATGGATGGTTCAGAATGCTAAACGGG
ATATCATGTTGTGTAAAGAGATTTCAAATCGTGGCCATTTCTTGTAACATTTTGAATCCAATTCTACCGCTACT
CATGTAAAATTTGAAGAATCAAAGGAAAAATAAATACATATTGTTATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
GGCCCCCGCCCCCAAAAATTTAAAAAACCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCGGAACCCAATTCCCCCAA
AAGGGAGGTAAAAACCCGGGCCACGGGCCCTTTTAAAAACCGCGGGAGGGGAAAAACCCGGGGGTA
ACCCAATTAATCCCCTGGGAAAAAACCCCTTTTCCCACTGGGGGAAAAAGAAAAAGCCCCCCCCAATC
CCCCTTCCCAAATTGGCCCAACCGAAAGGGAAAA

>trans_s_12126AJ006228|Nicotiana tabacum mRNA for Avr9 elicitor response protein

TGATTAGCGTAAACCAAGCAATGGCAATTCTTCCTTCGCAGCCTAACTTTGACACTTCTGACCTCCAAAAC
GCGCCTAATTCTTCTTCATGACGTTACGTTTCACAAGCCCCCAATTTGATTCAACTTTCTTCATTCCATTAACC
CCATAAAAGTCTTTGTTCAATTTCTCCAGTTTCTTACTCGGGTCGTCTCTTCTTTTGCACAAAACAAACAA
CAACAAACCATAAACAAATGAAGAGCCGTGGCACTAGAAAGATTTCTATTATATGGGTTCTTTCTTTTGT
CTTTTCTTCTTTTTCGGTATGCTCATCACCAACAGAATATGGTCGGTGTCTGAATCCAATGGTCAGGTCATCTC
CCGTCGTCGACATGAACAAGAACTTCAAATCGTCTCTGAAGATAGCTCATTTAAGATTCCAGCGGAAAAAAG
GATGTAATGACCGAAGTTTATAGAACTCAAGAAGCAATCCAATCTTAGACAAGAAGATTACAATGCTTAACA

TGGATTTAGTGGAGGCTAGAAATTCTAGGGGGATGCACTCCTCTGATAGCCGCACCCCCTCTATTGAATCCAG
CGGTAAAAATAATCTGCCGAAGAAGAAAATGTTAATGGTGATTGGGATAAACACCGCTTTTAGTAGCAGAAG
GCGTCGAGATTCAAGTTAGAGAGACGTGGATGCCACGAGGGGAAAAGCTGTTCCAGTTGGAGCGAGAGAAGG
GGATTGTTGTCCGTTTATGATTGGCCATAGCGCAACTTCCAACAGCATTTTAGATCGTGCAATTGATTCAGAA
GATGCGCTGCATAAAGATTTCTTAGGCTGGAACATATTGAAGGGTATCATGAATTATCTGCAAAAACAAAAT
CCTTCTTTTCCACTGCCGTTGCTAAATGGGATGCTGACTTCTATGTCAAGATAGATGACGATGTCCATGTAAAT
TTAGGGATGCTAGCTACTACTCTTGCTTACCACCGTTTCGAAGCCCAGAGTGTATATTGGGTGCATGAAATCTG
GACCTGTTCTTTCTTCAAAGAGTGCCAAATACCATGAGCCTGAATACTGGAAATTTGGAGAGGAGGGAAATAA
GTATTTTCAGACATGCAACTGGACAGATTTATGCAATCTCAAAGGATCTAGCCACATACATTGCAGTCAATCAGC
CAATTTTGACAAATATGCCAATGAAGATGTGTCTCTTGGTGCTTGGTTAATAGGCCTTGAAGTCGAGCATATT
GATGACCGCAATATGTGCTGTGGGACGCCCCCAGATTGTGAGTGGAAGGCACAAGCAGGAAATGTATGTGTT
GCCTCATTTGACTGGAGTTGCAGTGGAATATGCAAATCTCTGGAGAGAATCAAGAGTGCCACGAAAAGTGT
GGTGAAGGCAATGGGGCTGTCTGGAGTGCCTTAATCTAGTGTTAGCTTCTGTTGATCTACTTGGGTTTTTGAC
ATTATTCACCTGTGGTCAGAAAAAGCTGGAGACTGTTTGGGAGTTGAACTGGAGATTAAACATTATAAAAAACA
ATGCAAGTAGAACCTTGAAAGAAGCTATATACAAGCGTGTGGCGATTAAATGGATTAGTAAGATTGTGTGGA
AAATATTCATATTTTCAGAAAAGAAAAAAGGGAAAAAAATTAGTTCCTTCTTCGAAGCTTCCAATTTTGTTGGC
GTGAGTTAAATTCATTGGTACCTCTGTTACTTTCTTAGTTTTCCCTTTCTTAGTTAAATCCAATTTATGTATTACA
GCCAGTGTATTATGTATTTTAGGCATCATTTGATTTCCCCTACAAGGTTGGGTCCCAGTCATTGTGTGAGATT
CTGTTTATGTAAACATTTCTTTGTATAGTCAAATAAATAAAATGAAATTGTTTGTGATAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12127DQ001726|Citrus sinensis pyruvate decarboxylase mRNA, complete cds

GGAGCAAGCGATGTGTTCTCTGTTCTGGGGATTTC AATTTGACCCCTTTGGATCACTTGATCTCCGAGCCCCA
ACTCAACTTGATCGGCTGCTGTAACGAGCTCAACGCCGGCTACGCTGCCGATGGCTATGCTCGTGCCAAGGGC
GTGGGTGCATGTGTGCTCACTTCACTGTCGGTGGTCTTAGCGTGTTGAACGCTATTGCTGGTGCTTATAGTGA
GAATTTGCCTGTGATTTGCATTGTGGGTGGCCCAAATTCGAACGATTATGGTACTAACAGGATCTTGCATCACA
CAATTGGGCTTCCTGATTTACCCAAGAGCTTCGATGCTTCAAACAGTCACCTGTTACCAGGCAATTGTGAAT
GATTTGGATGATGCGCACGAACAGATAGATACTGCGATTCAACTGCTTAAAGGAAAGTAAACCTGTTTATA
TCAGCATAAGTTGCAATCTTCTGGAATCTCTCATCCAACCTTTTGCTAGGGATCCTGTTCCCTTCTTTCTTGCGCC
GAAGGTAAGTAACCAATGGGGGGTGGAAACCACCACTGCAATTTTTCTGAACCAAAGCCATG
AAACCCAGTGATTGTGGGAGGTCCCCAGGCTTAGAAGTGGCCAAAGGCCCAACGGGGCGTTTCGTCGAGCTT
GCGGGATGCAAGTGGATATCCGATCGCCGTTATGCCGTCTGGGAAAGGGCTGGTGCCAGAGCACCATCCACA
GTTTATAGGGACGTATTGGGGCGCTGTGAGCTCCAGTTTCTGTGGGGAGATAGTTGAATCAGCTGATGCTTAT
GTCTTCGTTGGGCCAATTTTCAATGATTATAGCTCTGTTGGGTACTCTTTACTTGTCAAAAAGGAGAAAGCTGT
GATGGTGAATGTGAACCGCGTGACCATCGGCAATGGGCCATCATTTGGCTGGGTTTTCATGGCTGATTTTCTA
ACTGCATTGGCCAAAAGGTTGAAGAAAAACCCCACTGCTCTTGAGAATCATCACCGAATATATGTCCCTCCTG
GACTGCCTCTCAACTATGCGAAGGACGAACCTTTACGAGTCAATGTTCTCTTCAAACATATTCAGCAAATGTTG
TCCGTAACACTGCGGTAATTGCTGAAACTGGTGATTATGTTCAACTGTCAGAAGCTTCGTCTCCCCGAAAAT
TGCGGCTATGAATTCAAATGCAATATGGATCGATTGGATGGTCAGTTGGAGCCACTTTGGGATACGCTCAGG
CCACTAAAGATAATAAGCGTATAATCGCCTGTATTGGTGACGGGAGTTTCCAGGTTACGGCTCAAGATATTTT
AACGATGATTAGATGTGGGCAAAGGAACATCATCTTCCTCATCAACAATGGCGGATATACAATTGAAGTAGAA
ATTACGATGGTCCATATAACGTTATCAAGAACTGGAATTATACAGGTTTGGTTGACGCCATCCACAATGGTG
AAGGAAAATGCTGGACTGCCAAGGTACGAACAGAGCAAGAATAATAGAAGCAATTGCGACAGCGAACAAT
GAACACGAAGAATCTTTGTGTTTCATTGAAGTTTTGGTACACAAAGATGACACGAGTAAAGAACTACTAGAAT
GGGGCTCTCGTGTGGCTTCTGCCAACGGTCGCCCTCAAATCCTCAATAAGTGGTTGTTGTAGAGTAACATCA

AGGGTGAATAAAGAGAATAAAAAATAGCAAAGTTTTTCATTTCATTGTATGCTGTGTTCAAATGAAGAGTTTATA
TTATCCATTTGACTTCTCTTGTGTGCATCCACATGATGATTACCGCATCGGAACAAAGAATAATAAAAAATAATA
AACCATGAGTATGAGTGTTCACATAGAGGCATTGAAAAATAATTAATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12128X95593|C.sativus mRNA for carotenoid-associated protein CHRC

AAAGATTTTTAAACGTAGCAGCTGTTTAAGTAAATCCCAGTCCTTCAGTTTGTGCTTTGTGTGTTTGTCTC
TGATTTACGCAAATTGGAAACAATCCAATGGCGTTTGTCTCAATTCAATCAACTCCGTGCAAGACTCTCGC
ACTCAATCCACCGCAGCCTCAATTGACTTCTAAGCCTTCGATTTTCCCATCGCTTCGATTGGGGCCGGCGCCA
GAGCCGCGGCGGGGAAGTCACTGATTTAGTTAGACCTTCGTTCAAGGTCCGTGCGGTGTTAAACGATGACG
AGTGGGGGGGAGGAGAAGGAGGAGAAGTATGGAGATGGTTGGCTGTGGCGGTAGCTGAAGAGGAGGAGG
AAAAGCCTATGGAGCCATCGGAGATTATAACTGAAGAAGGCGTTGGTGGACTCGTTTTACGGGACCGATC
GTGGATTACGAGTGTGAGAGATACTAGGGCGGAGATTGTGAGCTGATTACGCAACTGGAATCGAAGAACC
CAACGCCTGCTCCTACTGAGGCCCTGACTCTGCTCAACGGCAAGTGGATTCTACGTACACATCTTCTCGGGT
CTGTTCCATTGTTGTCTAGGAATACATTGCCATTGGTCAAAGTTGAGGAAATTCGCAGACAATTGATTCAGA
GAACCTCACCGTCCAAAACCTCTGTTCAAGTTTTCGGGTCCTCTAGCCACCACTTCCATTACTACCAATGCAAAGT
TGAAGTTCGAAGTCCCTTGCCTGTACACATCAAGTTCGAAGAAGGTGTCATTGGAACACCCAGCTGACGGAT
TCGATAGTGATACCAGATAATGTGGACTTTCTTGGGCAGAAGATTGACCTTTCACCATTCAATGGTATCATATC
TTCCATTCAAGACACTGCTTCAAATGTAGCCAAGACGATTCTAGTCAACCACCACTCAAGTTCTCAATCTCAAA
CACGAAGGTAGAGTCTTGGTTGCTAACTACTTATCTTGATGAAGATCTTCGAATTTACAGAGGAGATGGTGGT
AGCGTGTTCTACTCCTCAAGGAAGGCAGTGCTCTTATCTCCCTAAACACCCTTACTCTTCTACTATAAAGG
GTTTCGTAGGAACTGAATTATTATTCAAGAATTCGTTAAACATGTTGTAGTTTCTTATCAAATAGTGTGATATT
GCCTTCCGTTCAAATGGCCAGCTTCAATTAGCCTTGCTTCTTTAAATCATCAGTCACTTGAATTTCTGTTGGG
AAAATAAACATTATTAATTTGTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAACCTTATCAAAACCCCCAACCCCGAGGGGGGGCCCCGAACCCAATCCCC
CAAAAAGGAGTCGAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTAAACCCCGGGACGGGAAAAACCCGGGGGT
TACCAATTTAACCCCTTGCAACAAACCCCTTCCCAAGGGGGGAAAAACAAAAGGCCCCCCCCCAATC
CCCCTTCCAAAATTTGCCACCCTGAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGAAACGCCCCATTAAGCGGGGGGG
GGGGGGGGGTACCCCCAACGGGACCCCTACATTTGCCAGCCCCCTAACCCCCCTCCTTCTTTTTTCCCTT
CTTTTCTCCCCACGTTCCCCGGTTTTCCCGTAAAGTTCAAAATCGGGGGCCCCCTTAGGGTTCCAATTTAGTG
CTTACGGCCCCCCCCACCCCAAAAAATTTAATTAGGGTGAGGGTTCACGTAGGGGGCCACCCCCCTAAAAAC
GGTTTTCCCCCTT

>trans_s_12129NM_202602|Arabidopsis thaliana MPK9 (MAP KINASE 9); MAP kinase (MPK9)
mRNA, complete cds

AGTTGACGCCAGATTTAGTTTAGGCCAGAGTTTGTGGCGCTGATGATTGGCCACCGAGAAAAATCTCCAAAGAT
GAAGAAGGGAAAAATGGTGAATTCAATGGCAGAGAGCTGAATCAGAACCGATGAATGCTGGTTTTATATGG
GTGATAAGCAATCAGAATTTTTCACAAAGTATGGAGAAGCAAGCCGATACCAAATTCAGAAGTTATTGGGA
AAGGAACCTACGAATTGTTGGTTCTGCCGTAGACACCCAGACTGGTGAAAGAATTGCCATCAAGAAAAATA
ATGATGTGTATAAGCATGTATCTGATGCCATACATCCTCAGAGAAATTAAGCTTCTCCGGATGCTTCATCAT
CCAAATATTGTAGAGATAAAGCATATTATGCTTCTCCCTCACAACGAGAATTCAAAGATATATATCTTGTTTT
GAGTTGATGAAGTCTGATCTTCACCATGTAATTAAGACAAATAATGATCTTCTCCCCGGCAGCATAAATTTT
CCTGTACCAGCTTCTAGTGGCCTAAAAATATTCATACTGCAAATGTCCTTCATCGAGATTTGAAGCCAAAA

ACATACTTGCTAATGCGGACTGCAGACTCAAGATATGTGATTTTGGACTTGCTCGTGTATCTTTTAGTGATGCA
CCATCTACTATTTTCTGGACAGTAAGGATTATGCTGCGACTCGATGGTATCGTGCTCCTGAACTATGTGGATCA
TTTTTCTCGAGAAAATGCTGACAGGGAGACCTTTGTTTCTGGAAAAAATGTGGTTCCACCAATTAGATCTAATC
ACCGATCTGTTTGGCTCTCCGGAACCTGAGGCCATAGCAAAGATTCGTAATGAGAAGGCGAGAAGGTATCTC
GGAAACATGCGTAAAAAACAACCAAGTTCCATTCTCACGAAAAGTTTCTAATGTTGACCCAATGGCACTTTGTTT
ACTGGAACGTCTCCTAGCATTGATCCCAAATGTCGTCTAACAGCTGCAGAGGCCCTTGCTGATTCTTACTTCA
ACGGCATGGCGAAACCAGAACTTGAACCTTCTATTCAACCAATTTCAAACTTGAGTTTGAGTTTGAAAGGAG
GAAGTTATCCAAAGATGATGTTAGAGAGTTGATTTATGCAGAGATTTTAGAGTATCATCCCCAGTTGCGTCAG
GGTTGTCTACGTGGTGGAGATCATCCAACCTCATGTATCCAAGTGGGGTCGATCGATTTAAGCTTCAGTT
TGCACATCCGGAAGAGCACCACGGTAAAGGTGAAAGAAGAAGTCCACTTCAAAGGCAGAACATTTCTTTACCT
CGGGAGCGGGTTAGTCCCACCGAGCAGAACAACTGAGAATAACATCGATTCCGAAAGAGGGAAAGATAA
TTGTGCTCATCTCTTGAAAAGTGCAAGTATCAGTGCATCGAGATGTGTTGGAGTAATACCAAAGGAGAAGTCT
GAGGTGGAAGAACTGAAGTGAAAAATGAAGCAGTGGATGGCTTGCTCTAAAAAGATTGCTGTCCTTCAAAC
TAAAGTTGATATATTTAGCTACTGAAGACAGGAGGCAGAAAGTTTTGATCTGACCACATTTTCTGGAAAACA
GATGGTTGATTGGACGAATTTCACTTGCCCTCATCTTAATAAATATAGAGCAGACATACCCTCCTTGTATA
TAATCTCTTATATTTTTGTAAAGCTAACCTGTAGTTTGTGCATACCACACATTTACACAAATAAAGGTATATTT
GCACCGTAGTATTGTGTGGTAAAAATTTACATAACAAAGCATATGATTATAAGTTGTCTCTGGTTTTGTATCCTTA
GAGTAACTACTGTTGTTTCAACTCAACAGAGTAAATCGTGTAATAATTATATGTTCAATCCAATTAGAATACTTT
TTGAT

>trans_s_12130NM_104208|Arabidopsis thaliana TTL1 (TETRATRICOPETIDE-REPEAT THIOREDOXIN-
LIKE 1); binding (TTL1) mRNA, complete cds

GCTCATCAGCGTTTGGCATCTCTGTTTCGTAGGTTAGGACAGGTAGAGAATGCTAGGAAACACCTTTGTTTTCC
CGGTGTTTCAGCCAGATCCAAATGAGTTGCAAAGATTGCAGGTAGTAGAGAGGCATATAAGTAGATGTGGGG
ATGCCCCGTCGAGTTAGAGATTGGAAAAGTGATTGAAGGAGGCAGATGCTGCAATTTCTGGTGGTGCAGATT
CTTCACCTCAGCTGTTTATGAGTAGAGTGGAAGCTCTTTTGAAGCTTCATCAGATTGAAGATGCGGAATCCAG
CCTATTTAGTATTCCAAAGTTACATCCATCGACCAACTCGTGCTTACAAACTAGGTTTTTCGGAATGCTTTCAGA
AGCATACTCTCACTTCATTCACGCCCAAATTGAGATGGCATTGGGAAGGTTTGAGAATGCAGTTACGGCTGCT
GAGAAAGCAGGGCAGATTGATGCTCGGAATGTAGAAGTGGCAGTGCTGCTTAATAATGTGCGCTTGTTGCT
AGAGCTCGTACTCGGGGCAATGATCTTTTTAAATCAGAAAGGTATACGGAAGCTTGCTCTGCTTATGGGGAAG
GTCTTAAGCTCGACCTTCGAATTCAGTTCTCTACTGCAATCGGGCAGCTTGTTGGTTTAACTTGGGATGTGG
GAGCGGTCCATCGAAGATTGCAATCAAGCATTACTTATCCAACCAACTTACACGAAAGCCCTCCTTCGAAGGG
CTGCCTCAAATAGTAAGCTTGAGAAGTGGGAGGAGGCTGTAAGAGATTATGAAGTTTTGAGGAGGGTGCTTC
CAGATGACAAATGAAGTTGCTGAGTCTCTATTTTATGCTCAAGTTGCATTAAAGAAATCTAGAGGGGAAGAAGT
TCATAATCTGAAATTTGGTGGCGAAGTCGAGGAAGTGTGAGCCTCGATCAGTTCAGAGCCGCCATATCGTTT
CCAGGCGTCACTGTGGTTCATTTCAAAGCAGCATCTGATGTACAATGCAAGCAAATATCGCCATTTGTGGATAT
TCTTTGTGTCGCTACCCTTCATTAATTTCTCAAGGTGAATCTAGAAGAAAGTCCAGCAATTGCAGATACTG
AAAATGTAAGGATTGTACCAACATTCAAGATTTACAAAAGCGGCAATCGAGTGAAAGAGATCATATCTCCAAC
TCGTGATATGTTGGAGCATTGGTGAGGTATTATAGCTTATAGAATAAAATCTACTGATGCTGCCTGTGCTCA
TTTCCTTTAGCAATTCTCCTCTTCTACCAAACCTCTAAATCTCGAATACCTGCCAGAACTCCTCCTACCTCACA
GGAATTACCCGATAACTGTGATAATTAGAAGGCTCGAAATAATCCCCACTATCCAACCAAAAAGAAAAA
AAAAAGAAGGCCAATGGAGTCCAGAGAGAGATAGTATAGTTCATTTTTGGAGTTGTTCTTATTCTATTCTC
ATTCCTCATTGCTTTCTGGTTCATCTTTTTTCTTCTCCCTATCATCTCCTCTTGTGTTAAATATCCGTTTTCC
ACAAGGTTTCCTTACTACAACACCCTTCAACTCAATTAGTCTCTATCACTTCTAGACTTACCAGTCTACTCCCC
CGTTGTATCGAACTCGTAGAATCATCAATCCCAATCAAACCTCAGCTACATTTTAGACAGAGGGAGAGAGCA

AGAGAGAAATGGCTGTTGGTAAATGAGGATCTGTACATGTATATATGATATATACAAGAAAAAAAAACCCAAA
AAAACCAAAAACAAAAGGAGGAGGAAAGGGGTAGATGGATGAATGGATAAAATAGTATGGGGGATTTAGT
GAAAAAAGGGTGAAAATACATTGTTACCATCATTGTTAGTTCCTCTGTTCTTCAAACATTTTCTCAT

>trans_s_12131GQ372880|Citrus sinensis cultivar Hamlin citrate synthase mRNA, complete cds

TTTCTGAATCAACATCCATTACAAATCCATCTCTCTGCTCTGACTTTCCTGTACGGTTCATTCCATCTCCCTTCA
ATTGATTCTCATTTTCGTCCTAAAAAATTAGGGAATTTTTGGAGTCATGGCGTTCTTCAAAGTTTGACGGCTC
TTTCTAAGCTACGGTCGCGTGTTGGACAACAATCTAATCTCAGCAACTCCGTTAGATGGCTTCAAATACAGAGC
TCATCCGATCTTGACCTACAATCTCATTTGAGGGAATTGATTCCAGAGCAGCAGGATCGCCTCAAGAAATTCAA
AGCTGAACATGGAAAGGTTCAATTGGGCAACATCACTGTTGATATGGTACTCGGTGGAATGAGGGGAATGAC
AGGACTACTATGGGAAACATCTCTACTTGATCCTGACGAGGGTATTTCGCTTTAGAGGTCTGTCAATTCCTGAAT
GTCAAAAATTACTACCAGCTGCCAAGCCTGATGGAGAGCCATTACCCGAGGGTCTTCTGTGGCTTCTTCTCACA
GGAAAGGTGCCAAGCAAAGAGCAAGTTGATGCATTATCTAGGGAGTTACAAAGCCGTGCCAGTGTTCAGAT
TATGTATACAAGGCCATTGATGCTCTTCTATTACATCTCACCAATGACTCAGTTTGCAACAGGTGTCATGGG
TCTTCAGGTTCAAAGTGAATTCAGAAGGCTTATGAGAAAGGAATTCACAAATCAAAGTACTGGGAACCAACG
TATGAAGATTCAATGAATTTAATTGCTCGAGTGCCTTTGGTAGCTTCTTATGTCTACCGCAGGATATACAAGGA
TGGCCATATAATTCCAAAAGATGACTCTCTGGATTATGGTGCAAATTTTTCGCACATGTTAGGATTTGACAGTC
CCCAAATGCAAGAACTCATGAGGCTCTACGTTACTATCCATAGTGATCACGAAGGTGGGAATGTAAGCGCTCA
CACAGGCCACCTTGTTGCTAGTGACCTTCAGATCCTTATCTTTCATTTGCTGCTGCTCTAAATGGTCTGGCTGG
ACCATTACATGGTTTGGCAAATCAGGAAGTTCTGCTTTGGATCAAATCTGTAGTGGAGGAGTGTGGAGAGAA
CATAACCAAGGATCAGTTGAAAGACTATGTTTGGAAAACACTAAACAGTGGCAAGGTTGTTCCAGGATTTGGT
CATGGAGTTCTGCGTAAAACAGATCCAAGATACACATGTCAGAGAGAGTTTGCCTTGAAGCATTTGCCTGATG
ATCCTCTTCTCCAGCTGGTATCCAAGCTCTACGAAGTTGTGCCACCCATCCTAACAGAACTTGGCAAGGTTAAA
AACCCATGGCCGAATGTTGATGCTCACAGTGGAGTGCTGTGCAACTACTTTGGTTTGACTGAAACAAGGTACT
TCACTGTTCTCTTTGGCGTTTCAAGGAGTCTTGGAATTTGCTCTCAGTTAATATGGGACCGAGCTCTTGC GTTG
CCACTAGAGAGGGCCGAAGAGCGTGACGTTGCAATGGCTTGAGGACTACTGCAAGAAAGCTACTTGATTTTGA
AGTGGCTGACTAAAAGAAAAGTTCATTGAGGCTTCACAAATTTGTTTCAGAGCGAGAGATTTCTTATCATTGT
AATAAAGTATTCAAGCATGGTTTACCCACACAGATGCAAAGATCATCTGGAATTTCTTTTCGGTGATTAGTAAA
TTTTTTATTCGTTTGATCTCATCAAGTAGTTGTTGTTAGAAGTGCAATGAGAAGGAGGAGATGGTGGGAGCCA
TTAATAAAAAGGTTTGACCATTAAAGAGCTGAGCAGAGCTCAGGCTGCACTTATCCCTGTAAGTTACATACTTCC
AAGTATACATGCATTTTTTCAGTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12132HQ456538|Afgekia filipes acetylcholinesterase (AChE) mRNA, complete cds

AGACCTTCGAACTTCGAACAAGATAATGTGCAAATAGAGAGAGAGAGAGTGTGTGTGTGTGGGCAAATGT
GAAGCTCCGACTCAGTATATGTAATATATAAATGTAAACTTCTGAACATATTACATATTCTCTAAAACCTTCT
TTCAGAAATCACTTGACGCGCAAATATGGAGTTTTTCGGCGACGGCACTGTCCGCATTTTTGGTTTTTCATGTTT
TCGTTGCACTGGCTTCACCGGACTGTAACCTTCCAGTGATTTTCAACTTCGGTGATTTCGAATTCGGATACTGGC
GCCATCTCCGCTGCTTTCGAGCCCATTTCGATGGCCCTATGGTGATGTATTCTTCAACAAGCCATCCGGAAGGGA
TAGTGATGGTCGCTGATCATTGATTTTCATCGCCGAGAAGTTGAGATTGCCGTATTTGAGTGCTTATCTGAATT
CGCTTGGTGCTAATTTCCGGCACGGCGCAATTTTCGCTACCGGGGGATCGACTGTACGGAAGCCGAATGAAA
CGATTTATGAATATGGAATTAGTCCGTTTTTTCTTGATATGCAGGTTACACAGTTTGAACAATTCAAAGCTCGCT
CCAATGATCTCTACAATCAAGCCAAGAACCCATATGACAGAGAGAACTTACAAGACCAGAGGATTACTCCAA
AGCACTCTACACTTTTGATATTGGGCAGAATGATTTAGCTGTTGGGTTTAGAAAAGCTGAGCATTGATCAACTTC
GTGCTGCTTTGCCTGACATCGTTAACCAGTTTGCCTCTGCAATTCAAAGAATATACAAGCTAGGAGGGAGATC

ATTTTGGATACACAATACAGGGCCATTTGGTTGCCTCCCAGTCAACCAATTTTACAATCTGAACCCTCCCCCTG
GCATCCTTGATGAGCATGGTTGTATCAAGGCTCAAATGATATTTCAATGGAGTTAAATAATCAGCTCAAAGC
AAAATTGGACAAGCTTAGGGCAGAGCTCCCGGATGCTGCCATTACCTATGTGGATGTCTATGCTGCCAAGTAT
GCTCTAATCAGCAACGGCAAACTCAAGGGTTTCCGGAACCACTCAAAGTATGTTGTGGGTACCATGTGAGGT
ATGACCATGTGTGGTGTGGGACAAAAGCACCCATAAATGGAAGGTTGGTGTGGAGATGCATGTGAAAACA
GAGCTCAATATGTGAGTTGGGATGGAGTCCATTACTCTGAGGCTGCTAATCACTTTGTTGCAAATCACATTCTC
AATGGGGCATTATCAAGCCCTCCTATTCGAATCACACAAGCATGCCATAGAAATTAATAATTGATGGGT
AATATTGAAGTTCTACTACTATATTGAGCATGTATTTTGTATTTGTAGTAATAATAAACTTGGAACTTCT
GAGTTCTTGGTTTTCTTTTTGAAGTGTTGCTTTAGAAGTGAAATACTTCATTTATTAATAATAAATTGCT
TATATATGCCTTGTGTATCTTAAAGCAGTATTACAGGAAATGGTAAACTTTTGTATTAATAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTACAAACCCCCCAACCCGGGGGGGGGCCCGGGCC
CCAATCCCCCAAAAGGGGGCAAAAAACCCCCCCCCCGGGCCCGCTTTTAAACCCCGGGGCGGGAAAA
AACCGGGGGTTCCCAATTAAATCCCTTGGAACAACCCCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAG
CCCCCCCCAACCCCTTCCCAAATTTGCACCCCAAAGGGGGAAGGGGACACCC

>trans_s_12133AF432225|Medicago sativa GSK-3-like protein MsK4 mRNA, complete cds

ACTGTACTTCACGCTAACTGAGAAAAATCCAACCTCCACTCCCCACCATGGCCACTCCATAAATTTACAAACC
ATACCCATCGCCATACAAAATCTCCACCAATTTCTCTCATTGGACTCTTATGATGAACCACCATTACTTTCTCT
CTCCGCCGAAATCCTACCAGAAACCTTGGTGCTCGGGTCGTGTGGAGTGTAGGAGTACTAAGACGCGTGATG
GTAATTAATATTGGTACTCCTAATGAACAGAGATAATAAAATGGCGTCTGCAAGCCTAGGAAATGGGGGAGT
TGGTAGTTCTAGGTCTATCAATGGCTTCAAGGGTTCATCTAGTTCAGTGGACTGGCTTGGGAGAGAGATGCTT
GAGATGAGACTAAGGGATAAGACAGATACTGATGAGGACAGAGATAGTGAGCCAGACATAATTGACGGAGT
GGGTGCTGAAGCAGGGCATGTGATAAGAACCACAATCGGTGGTCGAAATGGTCAATCTAAGCAGAATATCAG
TTATATCGCAGAACATGTAGTTGGAACCGGTTCTTTGGTGTTGTTTTCAAGCAAATGTAGAGAACTGGA
GAAATTGTTGCAATCAAGAAGGTCCTTCAAGACAAGCGATACAAGAATAGGGAGCTACAGATTATGCAAATG
TTGGATCACCCAAATATTGTTTCCCTAAAGCATTGTTTCTTTCAACAACAGACAAAGAGGAGGTCTATTTGAA
CCTAGTGCTTGAATTTGTTCTGAACTGTCAACCGTATTGCAAGGAACTACAGCAGGATTAGTCAGCGGATG
CCCTTAATCTATGTTAACTTTATACCTATCAGATATGTAGGGCACTTGCTTACATACATAATTGCATTGGTATC
TGTCATCGGGATATCAAACCTCAGAACTTACTTGTGAATCCACATACACATCAGCTCAAACCTTTGTGACTTTGG
GAGTGCTAAAGTCCTGGTGAAAGGTGAGCCTAATGTTTCATACATTTGCTCAAGATACTACCGTGCCCCAGAA
CTCATATTTGGTGCCACTGAGTACACTACTGCAATTGATATATGGTCGACTGGATGTGTGATGGCTGAGCTACT
TCTCGGAAAGCCCCTTTTCTGGTGAAAGTGGAGTCGACCAACTAGTTGAGATTATCAAGGTTTTGGGAACT
CCAACCAGAGAAGAAATAAAATGCATGAACCCAACTACACTGAATTCAAATTCCCACAGATTAAGCCTCATC
CCTGGCATAAGGTTTTCCAGAAACGTCTACCTCCTGAAGCTGTGGATCTTGTATGCAGGTTTTCCAGTATTGCG
CCGAATTTGCGGTGTACTGCTTTGGAAGCTTGTGTCCACCCCTTCTTTGATGAGTTAAGAGACCCAAATACACG
CCTCCGAATGGCCGCCCACTTCTCCCTTGTTTAATTTAAACCTCAAGAGCTTGCTGGCATACACCCGATAC
AGTTAATCGACTTATCCCAGAGCATGCTCGTAAGCAGAACTTGTTTCATGGCTTTCATACCTAGAGCTACAGAT
GAGAGGTCTCATTGGTGCTGCTTGTGGTCATTCTGCTCCAAGTCGGTTGTAACTAAACATCTCGAATCCACC
ATTCCATTGCTGGGTATATCTATAATGGTTTGGGTGCATTCTGTGAGAAAAAGAGTTTAGCAGTAAAGATT
TGAGAAATCTGAAGCTTTGTGTTTGGTTGAAGAAAAGATATTTTGTATTTAAATAAAGACGGATAATTTATG
GTGTATATTTTTCAGTCAATCAATACCCATAATATGGTTTAATGGTGTACCTCTACCTACATCTTGATTGTTTT
CTCTCTTGTCAATGTTTTCCCTTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12134AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

>trans_s_12135HM122579| Malus x domestica HD domain class transcription factor (HD21) mRNA, complete cds

[illegible]

TGACTTCGACTACGAAAGCTTCAGAACCGTCGGCGCCGATGACGGCGATGATCAAAGAGTTGAAGTATCGTT
ATTCCTGATTTTAAAGATGGGTCGTCGGACAGCGACTCAAGCGCCATATTGAACGAAGACAACAGCCCCAAAC
GCCGTCGTTTCATCAGCGACTGCCGGAATGCTCCAAAGCCATCACCAAATTCTGTCGTCTCCGGCAACGTCTTT
GAACTGCTTTCCGTTTCAAAGGCTACTTATAATAATGCCCAACAATTTGTGAAAATTGAAGAACACAATTTCT
TCAGCGGAGAAGAGACCTGGAATTTGTTCTCCGATGAACAAGCCCCATCTATGCATTGGTACTGCCCCGATCA
GTGGAATAAAGATAATATCATCCCGATCAGCGGAGTAAAATCTAGTGTTGGTAATTCGCATTGTGCAGACGT
GCAAAATAAAAAGGAAGAAAAGTGTGGGATTGGTCGAATAGGGAGCAGCTGCCGGCTCCGGCCAGAGAAAAG
ACGGTAGAGAGAGAGAGAGAGAGTGAATTTAAGTGGGTGAAAATGGACGACAGAGGGAAGAGAGTCTTCAT
TGGAATGAAGCTGTAAAAGGAACTTTTAAGGGATGGATGGTTGGATGATTAGAACAATATTGTAATGAA
CAAATAATCATTCCTTTTGCTTTTAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12136AB204522|Malus sylvestris ACL5 mRNA for ACAULIS5 protein, complete cds

CCCCTTCAAACCTTACAACCTCTCTGTTTCGTCATCAACTATTACGTTCCCATTTCTCTCCTTCTCCTCCTTAAAC
CGATGGGTCTGCAGTTCTAAGCTCACACCAATGGCTTCTCTCAATCAGTCGATCGAAACTTCGAAGAGAA
AACCAATTACATCAATGACGATAATTCTTCTCACGAATCGGTAATCAACAATGTTAATGGCGACGATTGCCATT
GGTACGAAGAAATCATCGACGAAAACCTCAAATGGTCCTTCGCTCTTAATCGTGTTCTGCAGCAAGGAACCAG
TGAGTTTCAGGATATCGCTCTTTAGATACGAAGCGTTTCGGAAAAGCATTGATGATCGATGGGAAGATGCAA
AGTGCTGAGGCCGACGAGTTTGTTTATCATGATGCTTAATTCATCCCCCTCTGTTATGCCATTCCAACCCAAAA
AGTGCTTTCATAATGGGAGGTGGAGAAGGCTCAGCAGCAAGAGAAGTTCTTAAACACAAATCAATAGAGAAG
GTTGTTATGTGCGATATTGATCAGGATGTGGTGGATTTTTGTCGTAAACATTTGACGGTGAACCGAGAGGCCT
TTTGTCACAAGAACTTCATCTCGTAATAAACGATGCAAGGGTGGAAATTGGAGAAGAGAAAGGAGAAATATG
ATGTAATAATAGGAGACCTAGCAGATCCTGTTAAAGACGGGCCTTGCTACAACTCTACACCAAATCCTTTTAT
CATGACATCCTCAAACCTAACTTCACCACAATGGCATTTTTGTAACCTCAGGCAGGACCAGCCGGAATTTTAC
CCACAAAGAGGTTTTTACCTCAATTTATAACACAATCAAACAGACCTTCAACTATGTGATTGCTTACACGGCTT
ACATACCATCTTCTGCAGACACATGGGGATGGGTTATGGCATCAGATCATCCTTTCTGTATAAAATCTGAGGA
ATTGGATAAGAGAATTGAGGATAGAATCAATGGGGAGTTGCTCTATTTAACTGGCCCCCTCAATTGTGTCTTCC
ACCATTATCAACAAGATTGTCTCTTTAGCGTTGTTGAATGAACTCACATCTACACTGAAGCGACAGCAAAGTT
CATACATGGTCAAGGGGTTGTTGGATGCAACAATTGAACGGGGGAGTTGTGGTCGTGGTGTGTAAATATA
CCATAATATTAAGGACCCTAAAATATATCACACTTTAATTAAAGACACCATTAATATAAAAAAACCTAATCAAG
ATTATTACTTTTCACTTATTTGGTATAAGAAAAAGAAAAAGGAGAAAATTTAGTTTGATTATTGATTACCTTTT
TAATATATAAATTAGAGTTAGATGACAAAATAAGCATAGCGTAATGATATAGCTGGAATGTACTAATACCGGA
ATCGAGTTGGTGAATTTCAATTCCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAA
AATTTTATCAATCCCCCAACCCAGGGGGGGCCCCGGACCCCATTTCCCCCTAAAGGGAGTCAAATTACCCCC
CCCCCGGGCCGCCTTTTAAACCCCGGGACGGGAAAAACCCGGGCTTTCCCCAATTTAACCCTTTGAACAA
AACCCCTTTTCCCCAGTGGGGAAAAAACCAAAAGCCCCCCCCCAATCCCCTTCCAAAAATTTCCCACCCCTA
AAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGTACCGCCATTAAACCGCGGGGGGGGGTGGGGTTTACCCCAACGGGGA
CCTCAACTTTGGCCAGCGCCCAACCCCCGGCCCCTTCTTTTTTCTTTCT

>trans_s_12137AF262997|Ricinus communis NADP-dependent malic protein mRNA, complete cds;
nuclear gene for leucoplast product

AAACGGAGAAGATGTTGCACAATATCCGTCAATATCAAGTACCATTGCAGAAGTACATGGCAATGATGGATCT
TCAGGAGAGGAATGAGAAATTGTTTACAAGCTCCTTATCGATCATGTAGAAGAATTGCTCCCGTTGTCTAT
ACACCAACCGTAGGTGAAGCTTGCCAGAAATATGGAAGCATCTTCAGGCAACCACAGGGTTTATATATCAGTT

TGAGAGAAAAGGGGAGAATCCTTGAGGTCTTGC GGAATTGGCCTGAGAAGAACATTCAAGTCATTGTAGTTA
CTGATGGGGAGAGAATTTTGGGGCTAGGGGATCTTGGATGTCAGGGGATGGGCATACCGGTTGGAAAACTC
TCTTTATATACTGCACTTGGGGGTGTTTCGTCTTCTGCATGCTTGCCCGTGACCATTGATGTTGGTACAAACAA
TGAGGAGCTGTTGAATGATGAGTTTTACATTGGGCTCAGGCAGAAGAGGGCTACTGGGCAGGAATATGCTGA
ACTTATGGATGAATTCATGACTGCGGTCAAACAATGTTATGTGTCTCCGAGACTCATTCAAGTTCGAAGACTTTG
CAAACCATAATGCATTTGACTTGCTAGCAAAATACGGCCCAACACATCTAGTCTTTAATGATGACATTCAGGGG
ACAGCTTCGGTGGTACTTGCTGGGCTCATTTCAGCTTTAAAGGTTGTTGGCGGATCCTTAGCTGACCATAGGTT
TTTATTCCTTGGTGCTGGCGAAGCCGGTACCGGAATTGCGGAGCTCATAGCCCTTGAGATATCAAAACAGACC
AATGCTCCGTTGGAAGAGACACGCAAAAAGGTCTGGCTCGTGGATTCCAAGGGGCTGATTGTAAGTTCTAGG
AAGGATACTCTCCAACATTTCAAGAAACCTTGGGCTCATGAACACAAACCTATCAAGAACTCATTGATGCCGT
TAAGGAAATCAAGCCAACCGTCTTGATTGGAACATCAGGCGTTGGAAGAACGTTCACTAAAGAAGTTGTGGA
GACTATGGCTTCAATCAATGAGCAACCTATCATCTCTCTCTTTCAAATCCTACTTCCAATCTGAATGTACTGC
TGAAGAAGCGTATAAATGGAGTCAGGGTCGTGCCATTTTCGCGAGCGGCAGCCATTGACCCCGTTAAATTC
AAGGGGAAAATGTTTGTGCCTGGCCAGGCAAACAATGCATACATCTTTCCTGGATTGTTTGGGGTTAATTA
TGTCAGGCACAATCCGCGTTCACGATGACATGCTTCTAGCAGCCTCGGAAGCTTTGGCGTCGCAAGTGCCCA
AGAAGATTTGACAAAGGACTCATCTATCCTCCATTTACCAACATCAGAAAGATTTGAGCACATATTGCTGCCA
GTGTGGCTGCAAAAGCTTATGAACTTGGTTTGGCCACTCGCCTCCCTCAACCTAAAGATCTGGTGAAATATGCT
GAGAGCTGTATGTACAGTCCTAGCTATCAAAATTACCGGTAGATTAGTGTTGTTACTCTGCTGTAGCTACATCG
CATTGTTGTTTTATTTTCCAATAATGTTTTTCTATTGTATTATTTTCTTTATGTTATGTAAGTTATTTGGTGATT
AGAAATGAGCTATAGTTTGCAGTAGGTGTGAAAAAATGAGAAAAGAAAAAAAAAAGTAGAAAAAAGAAC
TCATACAAGTTTTTCATGAAATTGAATGGAACTTGTGCTCAAATCTGAAGGATTCATGACTTGTTGTTGAAG
TATATTCACAGGTTTCTGTAAAAAAGAAAAAAAAAAGAAATTATTGTTGGATTTTCTGTTGAATATAACT
AAAGGACTACGAAATTCCTTTTCCAAAAAAGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAG

>trans_s_12138NM_121906|Arabidopsis thaliana MPK16; MAP kinase (MPK16) mRNA, complete
cds

ACAGCAAATGTCTTCCACCGGGACCTAAAACCAAAAAACATCTTAGCAAATGCCGACTGCAAACCTCAAGATC
TGTGACTTTGGTCTAGCACGAGTTGCTTTTAATGATACTCCTACTGCTATTTTCTGGACTGACTATGTAGCAACA
AGGTGGTACAGAGCTCCTGAACTCTGTGGTTCATTTTTCTCAAAGTATACACCAGCAATTGATATATGGAGCAT
TGGCTGCATCTTCGCGGAGCTTTAACTGGAAAACCACTTTCCCTGGAAAGAATGTTGTCCACCAATTAGATT
TGATGACAGACTTTTTGGGAACCCCAAATGCCGAAGCCATTGCCAGGGTACGAAATGAGAAAGCTCGAAGAT
ACTTGAGCAGTATGCGAAAGAAGAAGCCTGTTCTTTCTCCAGAAGTTCCTCATGCAGATCCACTTGCATTT
CGCTTGTTGGAAAGAATGTTGGCTTTTGAGCCAAAGGATCGACCTACAGCAAAGGAGGCCCTTGAGATCCAT
ATTTTAAAGGCTTAGCGAGGGTTGAGAGAGAGCCATCTGCTCAACCTGTTACTAAGATGGAATTTGAATTTGA
GAGACGAAGGATAACCAAGGAAGATGTCAGGGAGCTTATTTACCGTGAAATTCTCGAGTACCATCCAAAAAT
GTTGAAGGAATACTTAGATGGATCAGAACCTACTGGTTTCATGTATCCAAGTGCGGTTGACCATTTAAGAAG
CAATTTGCGTTCTTGAGGAACACTATGGAATGGTGCAACTGTAGCCCCTCTGAAAGACAACATGCATCCTT
GCCTAGGCCATGTGTTTTATACTCAGATAACATGGTGCAGAACTCGGCCCAAGTTGCGAATGACCTATCCAAA
TGTTCCATCAAAGAAGTTGAGAGGCCACAAGTGGATAGGAATTGCAATATTCCTTGGCTAGAGTTCCTATTC
AAGTTCCTCAATCTATTCAAGCAGGCAATGGTGCAAGGCCTGGAAAAGTTGTTGGCTCTGTGTTACGATACAA
CTGTGGAGCAACAGCTGCGGCAGTGGCACCTGAAGTTCTTGAACAGCGGAGAATGACCAGAAACCTTCCAT
TCCTCCACAGTATGCCGTAATAACTGTTTCGTATCCAAGGAGAACTCATCCTGTAAAAATGAAAGAAGTAT
GAAGAAGCCATTGAAGGTCCAAATGGGTTGCAGCCTAAACCTCAGTACATAGCTAGAAAAGTTGCTGCTGCC
CAAGGTGGACCAGGAAATAACTGGTACTGAATCTATAATCCAATTCCTTCTGCTGCCTGCGGTTGTTTCAGT
GAAGACGTAACCAAGATGCGGGCTTCTACTGAATCTTCTCGTGGACCACCTCCCACGAGTCTGATTGAAACCA

ACAGCAGCACCATTACACGGGGCGATGAAGTTTAAGACATGATTCATTGGAAAGGCAAAGCAAACGTGACTA
CTCTATGTTGCTGACAAAGTTGGATTGCTATCTTAGCATTCTTTACATGATAACGTCGTGTTAATGTTTCGTCGTC
TCAGCTGTTGAAGCATTGGGACTTGCTGCGGCTTACCTGGTACTTGAAATTAGGACCATAATGCTGATTATTAT
GTTTTCTTTATACGTTCTCTTTACTTCGCAGGTATAAGTTATAATAGTTGACTAATCCAATCTACTAAGATTGCT
ATTTGACAATATTTGGGACTTGGAATCAACCTTAGCTTATTCTCTCTATGTATGAAATTTGTAATTCCATAACT
TAAATTTGTACTTTTACATCTCCTTCACTGTATCATTCTGATAAGCTCCTAAATCATTACGTTTCCAGCTAACT
AAAGGGATTTTTGCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12139M73707|Mesembryanthemum crystallinum phosphoribulokinase mRNA, complete
CDS

TTCTTTCTAACTGTAGTTTGTTCCTTGATCCATTCTAAATATTTCTCTGCATGAAAAGAAGAAAGGAAAAAG
TGAAGGCGAAACCTGTTTTATGCTTCAGAAAACCAATTCAAGTAACCAAAGATCTGAACCTCAGACCATGGC
AACAGTCTCTACAGCCAAGTCCCTTATCTACACACATTACTCAGTCTATTTCATCATCAAAAACAAGCTTAGGAC
ATCACCAAGAACAGATAGTTTTCTTCGCAAGTGGCAAAAAATCCAAGAGTGGCAAAGCCAACACAAACCCATG
GCTGATAACCTGCTCAGCAGGTGACCAACAGACAGTTGTGATTGGTCTAGCAGCAGATTCAAGGGTGTGGGAA
AAGCACTTTCATGAGGAGGCTAACTAGTGATTTGGAGGTGCAGCAAAGCCACCAAGAGGTGGAAATCCAGA
CTCCAACACACTCATAAGTGACACTACAACCTGTGATATGTTTAGATGATTATCATTATTAGATAGAACTGGAA
GGAAACAGAAGGGAGTTACTGCACTTGACCCAAGAGCTAATGATTTTGATCTCATGTATGAGCAAGTTAAGG
CTCTCAAAAATGGAATTGCAGTTGAGAAGCCTATTTATAATCATGTACAGGTCTTCTAGATCCACCTGAGCTT
ATTAAGCCTCCTAAATCCTTGTCTCGAAGGCCTGCACCCGATGTACGATTACAGAGTGAGGGATCTTCTAG
ACTTCAGCATTTACTTAGATATCAGTGATGAAGTCAAATTTGCTTGGGAAGATTCAGAGAGACATGGCAGAGAG
AGGCCATAGCCTTGAGAGTATCAAAGCAAGCATTGAAGCACGAAAACCAGATTTGACGCATATATCGATCCA
CAAAAGCAATACGCGGATGCTGTGATGGAAGTATTGCCAACGAGATTGATTCCAAATGACAATGAAGGCAAA
ATTCTTAGAGTTAGATTGATAATGAAAGAAGGAATAGAGAATTTCAATCCAGTTTACCTGTTTGATGAAGGAT
CAACGATCTCATGGATTCCTTGTGGAAGAAAGCTTACATGTTCTTATCCTGGAATTAGGCTCTCTTGTAGCCCT
CAAATTAATTTGGTCATGAGGTAACAGTATTGGAGATGGATGGGCAATTTGATAAACTGGATGAGCTTATCT
ATGTAGAAAAGTCATCTAAGCAACATTTCCACCAATATTATGGTGAAATTACTCAACAAATATTGATGCACTCT
GATTTCCCAGGAAGCAATAATGGAACAGGCCTTTTTCAGACCATTCTTGGCTTGAAAATTAGACACCTTTATCA
CCAAATTATAGCCACCACACAACCTCTCCCCGACTCAATCCGCAAAAACATAAAATTCATCTATCGTTTTTCGTAGT
ACAACAACAGTAACGGAGCTAAAAATTGAATCTTCGACTTCTAGATCGAAAGATTATGTGGTCTTCGTTAGG
CTATGTGCACTACGTACCAATTTGGTTGGTTAATTAGTTAGTATTAGTCGTAGTTTTGTGCTATTGTGTTAACA
GTATGTAAAGTTGGAAGATTTTATGCCATGGGATGGAATATTAACTTTCAATATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAA
AAAAAACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCGGCCCCCGGGCCCCCAAAAACTTTTCGCTC
ACTGGCCGCCCTTGGGGGGGGCGGGGCCGGA

>trans_s_12140AY112602|Zea mays CL6289_1 mRNA sequence

AAATTCGCAAAATTGATAAAAGTTTTAGCTGACAAAGCCGCCATCTTTGTCGAAACCCAGAAGCTCTCTTTCAT
TTTGAGCTTTGAGTGATCGTCCATGGCGTTTCAAACACAAATTTGAAGAAGGCCCTCCGTGTGGCGAACTC
GAAGTCGAAGGCGCTCCATGGCTTTTCAGGCTACCTTTTGCCTTCTTTCTTCAATTCCTTCTTCTCTGCT
GCCACGGATGCCGCCGATCCCAAACCTGTTCTTCCCTCGTTTGATTATGAGCCGAAGCCTTACAAAGGACCTCT
CGCCGATGAAATTTTTCAGAAGCGGAAGAAGTTTTAGGTCCTTCGCTTTTCCACTACTACCAGAAGCCACTCA
ACATTGTAGAAGGAAAAATGCAGTATTTGTTTGATGAGAATGGAAGGCGCTACCTTGATGCTTTTGCTGGAAT
AGTTACTGTATCTTGTGGGCATTGCCATCCTGATGTTTGGCTGCAGTCAATGAGCAAAATAAACTTTTACAGC

ATGCTACAACCATATACCTACACCATGCGATAGCTGATTTTGCTGAAGCATTGGCAGAAAAAATGCCTGGAAA
TTTGAAGGTTGTATATTTTGTAACCTCTGGGACAGAAGCAAATGAATTAGCCATGCTTATGGCCCGCTGTACA
GTGGTAATCTCGGTATGATTGCACTGAGAAATGCATACCATGGAGGAAGTTCCAACACAATTGGATTGACGG
CTTTGAACACATGGAAGTACCCAATACCTCAGGGCGAAAATTCATCACGTTGTGAATCCTGATCCATATCGTGGT
GTCTTTGGGTCAGATGCTAGTGGTTACGTCAAAGATGTCCAAGATCATATTGATTATGGTACTTCAGGAAAAG
TTGCTGGATTTATAGCTGAAACAATTCAGGGAGTTGGAGGAGCTGTTGAATTAGCACCTGGATATTTGAAACG
TGTTTATGATATTGTTGCAATGCTGGTGGGGTGTGCATTGCTGATGAGGTTCAAACCTGGCTTTGGTGAACA
GGAAGCCATTATTGGGGCTTTGAAACACAGGGTGTGATTCCCGATATAGTAACCATGGCAAAGGGTATTGGA
AATGGTTTACCATTGGGAGCAGTGGTGACAACGCCTGAAATAGCGAGCACAATGGCTCAAAAAAATTCAGTT
CAATACTTTTGGAGGGAACCCAGTTTGTTCGCTGGGGGACTTGACAGTTCTAAGAGTTATTGACAAAGAGAGG
CGTCAAGCACATTGTGCTGATGTTGGTTCGCACTTACTGGAGAGATTGAGAGCTCTCCAGGAAAAATATGAAA
TCATAGGAGATGTACGAGGAAGGGGATTAATGGTAGGTGTAGAATCGTAACCGACCGGAAGGAAAAAACC
CCAGCAAAGACTGAAACCGCAGTATTGTTGAGAACTAAGAGAACTGGGCGTTCTCGTCGGGAAAGGGGG
TCTGCATGGCAATGTATTTTGAATAAAACCTCCCATGTGTTTACCAAAGATGATGCAGATTTTCTTGTCGATG
CTTTGGACTATTCCATTTCAAAGCTGTAAACTTAAAGCTTTAATAAGGTAAAGAAGTCAGATTCAAGTGT
TTCTTTGTATGTAACCTAAAACAAAATGTAGTTCTTGTTGTATGAGTTTGTCAATTGTTCTATTGTTCAAT
GTTAGAAGTTTATTGTACAATGACTTTGAAACTTCTAAGAATAAAATGTAGTTTCGTTGTACATCCGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12141NM_001050368|Oryza sativa Japonica Group Os01g0673500 (Os01g0673500)
mRNA, complete cds

TTGGATTGAAGTGGCCGAGAGACTCTTCTTCCAATATTGTTGCAACATCTAAAGTCTCTCCCCTCTTTCACCTC
CTCCGATTCAATTGCAGCATCAATGGCCGCTGAGGACGATTCTGCTCCAACCTCGTTGGACGTTCCAGGCACTCC
TACTTTCTCTTCAACTGTTTTGTTTTCTTGATTCAAGACGTTCTATGATTCCACATTTGGGAGAAAGAAGG
AGTCGAAGTCTCGAAATGGTGAGACATCCGATTGGCTTTGAAAAATGAGACTAGTTTGGGCACAGCGGCAA
ATGGAACCTGCGCACGGGCTGAATTGGCCATCTATGAGCAGTTTCGATTGCAGAGTAACTCAAGTTCTGCACC
TGGTGCTGTGGCCAACCGTAATACGGTGACTATACAGAAGCCTTTGCTTCTCCATTAGAATCTGCAGAAATG
CGCAACATAGCTGAAAGCATTGCTAGGGATATAATACGTGGAAATCCAGATATTAAGTGGGAAACCATCAAA
GGTTTAGAACACGCCAAACGCTTACTTAAGGAAGCAGTGGTCATGCCAATAAAATACCCCAATTATTTTCGGG
GTCTCTATCTCCATGGAAAGGCATCCTCCTTTGGCCCTCCTGGAACGGGAAAGACCATGCTTGCAAAAGCT
GTTGCAACAGAGTGCAAGACAACGTTTTTCAATATTTAGCTTCTTCTGTAGTGAGCAAGTGGCGAGGTGACT
CGGAGAAATCTATCAAGGTCTTATTTGAGCTTGCTAGGCATCATGCACCGTCTACTATATTTCTTGACGAAATT
GATGCAATAATTAGTCATCGTGGTGAGGGACGCAGTGAACATGAAGCTAGTAGGCGTCTGAAAACAGAGTTG
CTCATTAGATGGATGGGTTGATGCAGACAGATGAACTAGTCTTTGTTTTGGCGGCCACGAATCTTCTTGGG
AACTGGATGCAGCCATGCTTCGTCGTTTAGAAAAGAGAATACTTGTGCCTCTGCCAGAACCAGAAGCTAGAAG
AGCTATGTTTGAAGAACTTCTTCTCCTCAACCAGGAGATGAGGATCTTCTTATGATATATTGATGGAAAGAA
CGGAAGGATATTAGGTTCTGATATTAGATTAGTGTGCAAAGAGGCTGCTATGCAGCCACTACGCCGCCTAAT
GGCCCAACTCGAGGAACAACAGAATGAGCTGCCTGAAGATCAACAGGGAGTAGTGCCTGAAGAAGAATTAC
CCAAAATTGGACCAATCACAGCCTTAAACATAGAGACTGCGTTACTAAACACGCGGCCATCAGCTCATCTGGA
TGCTCCCCGCTATGAAAAGTTCAATGCCGACTATGGAAGTCATTTGCGGCACTGAATTATCCCTCTCGGCAGCC
TTCTTGATGTGCATGGGTAGTTTGGCGTGTGTACTACAAGGCAAAGCATTGAATTGTGTTTCAACATAATAA
TTTCCAACCTACTAGTACCACAGTAGATTTATAAATGTATCATCTACACATTTGGGTCTATGAAATTATATGCTC
AATTCAATTTGCATTATCATTGATTTCTTCGTAAATTAGAGAAATGAGAACAACTGGCCAGACAATTGAGC
TTCAAAGGCTGTGTTTGGTCTTTTATTAGTAGATGTGGGACTTGTTATATGGACCATCTTCTTTATTGATGTAA

TTGTTCTTCATATCCGATAGATGTGAGAGTTTGACCTTTTTGTCAAATCAAATGCAGAATTGATGTGACCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12142EF637045|Glycine max SAL1-like protein mRNA, complete cds

AAAAAAGAACTTTGACTTAAAATGAGGAAAGAAAGGGGCGAGGAGAGGGAGAGAGAAGGAGATGGCTA
TAAATTTGTTGAAAACCTTTCCCAAAGTTTCAGACCTCCATTACTTCTAAACCTTCGACCTCTCTTTATTCAACCAC
CAGAAGCTCCTTCTCCTTCCCCTCATATCGTCCAGTTGCGTTAGCCGTTTGTTCAATGTCTTATGAGAAGGAGCT
CGCCGCTGCCAAGAAAGCCGCCTCTCTCGCCGCTCGTCTCTGCCAGAAAGTGCAGAAGGCATTGTTGCAATCT
GATGTTCAATCCAAATCAGATAGAAGCCCAGTGACCGTAGCTGATTACGGTTCACAGGCGCTGGTTAGTTTTG
TACTGGAAAGGGAACCTTCTTCTGAACCTTTTTTCATTGGTAGCTGAGGAGGATTTCGGGAGATCTCCGAAATGA
GAGTGGCCAGGAAACGTTACATCGCATTACAGAACTTGTAATGAAACAATTTCCAGTGAGGGATCATATGGT
GCTTCAACCTTAACAGCAGAAGATGTGCTTAGGGCTATTGACAATGGGAAATCTGAAGGAGGCCCTATTGGTC
GGCATTGGGTTTTGGATCCCATAGATGGGACAAAGGGATTTCTAAGAGGAGACCAATATGCTATTGCATTGG
CATTGCTTGATGATGGGAAAGTAGTATTGGGTGTCCTAGCCTGTCCAAATCTTCCCTGGGACCAATTAATAGC
AGTAATCAGCATTCACTTCTTGGAGACGTTGGTTGCCTTTTCTTTCTACGGTTGGTGCAGGAACATATATGCA
GTCACTAACTGGTTCTACATTAACAAAGGTGAGCGTCAGTGCTACTGAAAATCCTGAAGAAGCATCTTCTTTG
AATCATATGAAGCTGCTCACTCTCTGCATGACCTTACGAGCGCCATTGCTCAAAATCTTGGTGTTAAAGCACCA
CCGGTTAGAATCGACAGTCAAGCAAAGTATGGTGCCCTTTCCCGAGGAGATGGAGCCATATACCTTCGCTTTC
CTCACAAGGATACCGTGAAAAGATTTGGGACCATGCTGCTGGATGCATTGTTGTTACAGAAGCTGGTGGAG
TCGTTACTGACGCAGCCGGGAATGCACTGGATTCTCAAAAGGAAGATATCTGGATCTGTACAAGGGTACCAT
TGTTACGAACCAGAGATTAATGCCATCACTCCTCAAGACAGTTCAAGAAGCTCTTAAACAGACAGCTTCTTCAA
CCTTGTGATTTTTCTTCCCCTCGAGTGGGTTCTGTTGCGGTTGTTTTGAGCTTTGAATCCTTTCTTCCACCCGCT
CAACTCTTCCCTGAATTGAACTAATCAGTTTTTCGGACAATGTCCGCTTTGAACTTCAACTGAACAAAATCTAG
CAATAAAGCTCTTGATTTGGGTTATGCTGGCCTTTTATGATCATACCAGTAGACTCAAGTGTAACATACCATT
GAAATTTTCATGGTAGAGATGTTAATTTTTAGCTTTTCTGACAACTAGATACTGTAGGCAAGGTGTAAGTTGATT
GGGGGACATTCATGGCTGAAAAACAAAAGCAAAGTACCTACTCCTCACTGCTAAGTAAATATCTCCTATGTTT
ATAACGACTAGGAGAGACAAATGCTATGAGAAAAAGTACTTTTATTTTCTTAAAGAAAAATTGTTGGAGTA
TGTAAGAAAAAGTAGTGTCAGCGATTAAATTGAAGGGATGCATAGTGATGAATACATCTTGTGTATAACC
TAACCTAAGCA

>trans_s_12143XM_002310908|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

TATGTGGAGGAATTTGATTGTGCAGGCTTTGTATCAAGTTGCTGTACTTCTTGTCTCAACTTCTATGCTATTGA
TATTCTTCAATTGAATAAAGATAGCAAGGAGCATGCCTTTAGTGTGAAGAATACAGTGATTTTCAATGCATTTG
TCCTCTGCCAAATATTCAATGAATTAATGCTCGAAAACCAGATGAAATGAATGTGTTTCAGCGGAGTGACGAA
AAATTATCTCTTTATGGGAATAGTCGGAACAACGTTCTGTGCTTCAGGTTCTCATCGTCGAATTTGCTGGAAAAAT
TTACTTCAACAGTAAAACCTTGATGGGAAACAATGGCTTATATGCTTTGCTGTGCGCCCTTGTCAGCTGGCCGCTG
GCGGTTGCTGGCAAACCTGATTCCGGTTCCGGAGACCCCATGGCTAAATACTTCACAAAGCCAGTTCAACGAT
GCCGAAGGTCACGTGCTGCTTAAATTTGGGATTTCTTCTCTTAAAAATAGCATTATTTTGAAAGACAAATTC
ATAATTTAGTATCTCTAGGTTAAAATATACCTTTAATCTCTATATTTTGGTTATTATTACTATTTTTTTTTTA
TTATTTGCTATAATTTAGTCATCACTCTATTAAGTGTAAACAGTCAAGTCCTGAGGTTAAAACCTTTTGGAGAAA
AAAAGAGAGAAAATCTCTATGGACTCGAATTAAGTGTCTTAATTGTTTACCATTCATGGACTTGAACCA
GGTATTTTATGTCAAGGACTTGATTGTTACATTTTTTAAAGCATGGACTAAATTATTGCAAAATGAAAAAAA
AAAAAGTATATATAAGAACCAAATATTATTGGAGTAAATATAAAATTTAACTAATGTTTTATTGAATAATTT
GGTGTAAGTCTTCCGTATATGTTTTCAAGTAATTAATTAAAGGGTCTCGTTTTATGAAGACACGAAAAGAAAA

AGAAAACCACTTCTCTTTTGGTGATTTTCATGACAATTAATGCAATAAACTGAGTACGGACAGTGAAATTC
ATCTTTTTTTCGTTTTGGACACAATGTTTTAAAATTACTTTTCGAGGGCAGTGCTATTTTTAGAATTTTCTTCTTA
GTAATGCTGTTTTTTTTTAGAAGAATCCCATAATGTTTCATTTGCTCAGAAGTTTGAGTTGTAATAATGAATAA
AACAGCAGATTGTAAAGATATGTGCTGAAGGTTTACTCATCAGACTGCCTGTGTACATATCACCTTTACTAACC
CATAAGATAAAAAGTGAAATTGTAAATTTACTTTTATTTTTTACAGTGATTTGTTTCCTTTCTTTTGTATT
CATGGTAATTGTAATGTTTAAGGGCGATTGATGATAAATACTCATAGTGATGTTATCAAAAGTTTGGAGGAAG
AATCTTCAGATTTTGAAGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGGCGCGC
CCCCCCTCCCCCATAGGGGGGAAATTAACCCCCCCCCCGGGGCGCGTTTTTAAACCCGGGGGGGGGA
AAACCCGGGGGTACCCCCATTTAAGCCCCTTTGAAAACCTCCCCCTTTCCCGGGGGGGGAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_12144AF403292|Vicia faba RNA-binding protein AKIP1 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTACCAATTTCTCTATTTTATTATATTCATTCATTTTGTCAAAGAAAGA
AAAAAAAAAAATATTAATATTCTAATTTGCTTTAGACTCGGGGGAGTCCGCCGAAACCTTTGTTTCTTCTTCTC
TTCTTCTTCTTCTTCCCCTCTTCTTTGAAGCCGCCGGCTCAGTAGCTCTCCAATGGAGGGAACCAACAAACCCG
CCAAAAGAAAGCTGGTCAAGAAATCTGAAAACAAGGTCGATAAGAACTCAAGAAAGAGCTTGAAGATAAC
GTTTCAGTCTCAACCACTCGACGACGTCTCCGACTCCGATTTGACGACCTCCCCAACTCCTCGAACCTTCTCC
AAGACCCAATTAATTGAGCTCATTGACACCACCGCTCTCAAAGACCCAAATCTTCAAGCCCAAATTCGAGCTGC
TGCAGACCGCGATGTTACTCACCGCAAGATATTCGTCCATGGCCTCGGTTGGGACACCACCCGAGAAACCTTA
ACTTCGGTTTTTGAATCTTTTGGTGAAATTGAAGATTGCAATGTGGTTATGGACAGAAACACAGGGAAGGCTA
AGGGATATGGGTTTGTGTTGTTCAAATCCCGGCAAGGTGCGATTAAGGCGTTGAAGGAACCTAGGAAGAAGA
TCAATAACCGTATGACTTCGTGTCAATTGGCTTCTGTGGGTTCAAGTCCGCCCCCCGCAAAGCCAGGAGGTTGG
GCCGCGGAAGATTTATGTGGCTAATGTGCACCATAATGTCGATGCTGAGAGGCTTAGGGCGTTCTTTGCGAA
GTTTGGAGAGTTAGAGATGGGTCCGATTGGGTTTCGATCCCGAGACAGGGAAATCGAGGGGTTATGCCATTTT
TATTTATAGAACGAATGAAGGTGCGAGGAAGGCTCTTGAGGAACCAACAAAGTGTGTTGAAGGGGATAAATT
GCACTGCCAGAGGGCGTCTGAAGGGAAGAACAAGAATCAAAATTCAACACAGGCCGCGCAAAGCTTAGGGC
AGAATCAGACGCCGGTTATGGCAGCAATGGCCGACGCTCCAAATTTGCAATTGTTTGTCAACATCCGGGCCT
TAATCCGGTGTATGGTGGATATGTGAGTCCAGCTTTGGGAGGTGGTGTGTTGAACCAGGGAGTAGTCCCCT
GAGTCAAGTGGGTCTGGTTGGTAGTTTCAGTTGGGGCTGGGATTGGCTTGAGTGGTTACAGTGGGGGGTCTGT
ATGGCTTAAGTCAATTAAGTGCTGGTGGTTTCGTATTGCTAGGCACTTATGGGTCTGGTTCGTATCGTTGAA
GGGGTTGCCGCACCTTTACTCGAGCACAATGCTTGGAAGACGGTTTCTGAATCGGGTCAGGCGGCTGCTGG
TGGGTCTCTCGGTGGATACACGTCACACTTGTGATGCTTGGGAATCCATATTTGCGTTTGAGGTGCTGCTGAA
CTTGTGGATGAATGATCCTGTACTTTTGGGAAGTTTATGTTAAGAGCTTCATTTGGGCTAATTTGGCTTTGATA
CCTTTTCCAACAAACCCTTTTCGTTTCCTCTTACCGTGTTTCCTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCCCTT
CCTTTCTTCTTCTCCTCCCTCTCGTTTATGTTTATGTAGTAAGGACCTGCTGATTGGCACCAGCCTTGTGTTTT
ATACTTCACTTTGTCAATATTATCATTTTAAATCTTTTAAAGTTTCGTATATATATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_12145NM_001054764|Oryza sativa Japonica Group Os02g0767200 (Os02g0767200)
mRNA, complete cds

AGTTTGAGAGTTAACTAGCGTTCCCCAAGCCCACAAACTACAAGAGCTAAGCCAAAAGGTGCGATAACTGA
AATGCGCTCAGGCATGGGGATGGGCGGTCGTTCTAATAATTATAATTGTAATGGCGGCTTCTCCAGCAGCTAT

ATGCTTCTAAACCCTGAAGAAGTCAAGTTTTTGGATTGTTGCGTCTCTTGTTTTCCAGCAACCTCAAAAAAAG
GAGATTTGTAGATTCAAGCCACGCCAGAGAGCATAATTTCTGGCACAGATTCTTCATCTTTCTCTATTGTCGT
CCTAAAGCTCCTCCGTTTCTTTGACAAACCCCTTGCCTTGCTGGCTTCTTCTCGAGTCCTCTCAATTTTCTA
TCCCTCAACGGCGGCTTTTCCGGCATTCTCCTCAACTTCTTCCGACTGAGGTTGAAAATACCGGACAGCTCATC
GGCGGAATACTTGTGATGATTGGTCACTTGACAGCAGAGTAACATTGGACAGCAGTATAAAACCTGGTGA
TGTCAATTACTTCGGTGCTCTTTGTATGATGGCCTCCAACTTTCTACGAGAATGAAGCTCACGTTGCACAAA
TTGTGAAGGATGTCTGGAAGATGGAGTTCCTTGGGATTTTCAATTTTGGGAATGACTATCAAGAAAAATGCTC
AACGCAAGCATTTCATGATGCGTGACAAAAAAGTTGATCACGATACCATCGTTGTGTCCTTCAGAGGCACAGAG
CCATTCAATGCCGATGATTGGAGTTCGACTTTGACATCTCTTGGTACGAAATCGAAGGCATCGGAAAAATTC
ATGGGGGGATTTATGAAAGCACTTGGCCTACAAAAGTGATAGGATGGCCAAAAGAAATAGAGCGACAAGG
TCATGATGAAAGACGCCCTTTGGCTTACTACACCCTGAGAGAGAAGCTTAAAGAACTTGTGAAAGAAAATGA
GCGGACAAGATTTGTAGTGACAGGGCACAGCCTGGGCGGGGCTTTGGCCATTCTATTTCTTCTATTTTGGTG
TTCCATGAAGAAAAATTATTGCTGGAAGATTAGAGGGAGTGACACATTTGGACAGCCTCGAGTTGGAGAC
CGCGCTTTGGGAATTCATGGTGAAATCACTCGCACAAATACAAGATTCGTTACTACAGATTCGTTTATGGTTT
CGACATGGTCCAGATTGCCCTTGATGACAAGGCGTTGATGTTCAAACACTTTGGACCTTGATTTATTTTCG
ACTGGAACATATGTTGCACAGATTCTGAAGAAGAGCCATTCAAGAACTATTTCTCGATAGTGGGAGCAATACT
GATGAGAATACATGCGTGTTTGGAGATAGGAAGAAGCTTACAATATCGTGGAGAAGGGGAAAGGAGTATG
AGGAAAAAGTGTTCTTGAGAATTGTGAGGTTGTTTGGATTGTTGTTGCCTGGAATTCTTGCTCACTGCCCTCAA
GATTATGTTAATTCAACCCGCTTGGGTTCCACAAGTCACTTTCTCAGTGAGTATGATGTCAAAGTTCAGTAGTT
TCTTTTTTCTTTCTAAAAAGATATTATAATAATATACCTATATAGATAGTGTATTTTATGATATATATTTTGT
ATGAAAAATGTTTGTTAAATGGACGAATATATATCTTTGTGTTGACCATATATATCTATTTGCCACAGTTAATT
GGTCTGTACTTAAATCGACATCTTTCTATAGATTAAACAAATTTTCTTTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_12146AY079028|Arabidopsis thaliana AT3g08780/F17O14_25 mRNA, complete cds

AATCGGCCATGGAAGACGATTCTTGCACAAGGTTGCGATTTCAGGCCCAATCTTAGCTTCTTTGATCCAACGC
TTCTCCTCCTCCTCCGGCGCCGTCGACGGCCTTCTTTTGGTTCATGTCTCCGACGTTACCCTTTTATCGCTCTCTG
ATGATTCATCTTCTTCAACCGACACCCAACCATCACTACGCGTCGCCACCGTCACCGGGTTTCTCTGCTCCGGTA
CCACCAATAGCTTTTACGACTCTCTTGGACGTGTAGATTCACAATCGCTTAACCGTCTTCTCGACCGACACCAGT
CCGACGGTCAAGCTCAACCCACGATTCTTTCTAGGTTGTTTTCCGGCCGCCGGAGGACTCAGCTTCGACCT
TCCATGCGTGAATACTTAGTGAGTTCCTCTTTATCTTCGATGAAGCAATTGTCGTTTCTGTTAAGGATGCTGTG
AATCCCACCAATTTTATCCCTAGTGTGTTTCTGCTTCTTACTTCGCCGCTATCCGATCAAATTATCCACACACACG
AGTACCGCGCTTTCCAATTTGGTCTTCCAATGAGTTCTTTGAGCCGAAATCGATTGACATTGTGAATATTGGG
CCGGCATTTCGTGGTCACTATGGATCGTTTATCCCTAATTCTCCTTTTCCCATTTGCCCTGCGAGATGCGAGCT
TCTCCGATGAATGAGGATAAGAATGATGATAATTTGAACATGATGAAGCAAACTCGAAAGACCAGAAGCAA
ATGAATGTGTGCGCTGAAGGATTTGAAGGTGGGAACCTGAACCGTTTACTGGGTTCTGAGGCAGCAAATTAT
ACTGCTGGGTTGCAGGATTTATACGAAAAAATGCTTGCCAAGACCGAGTGCTTGGCGCGGCTTGTGAGGAG
AGCTCTGCACAGGTTCTTGAGCAGGAAAAACCACAACAGGAAGTTAAGATATAAAGTTGCAAGGTACCCTGGA
TTTGAGTAAGAAATTTGTTTCGTACGACGGACGTTTTTGTACATGGATTGGAAGAAGTCGACCTTGGAACGAAA
CTGCAAACTTTTGCCATCAAGACCTGAATGCTGCATGCTGTTGACATTACAGTGGTGACTTTTTGAGCTGTATG
GAGCTACCAAGCAATCCTGAGAAGTCCTAGGAATGACCTTAAGTTTAGGCAGTTGTTTGTGTTGGTGGATGTCA
TGATATCATCAAAAGATAGAATGAGTTCCTCACATCCTAGAGCGCCATTCCCTACCTTTTGTGACTTGAAGAA
CCTACCCTGTTTGATATGATTTACATATTCTGTACAAAAGTGTTCTGTTATTGATTGGACTCCGTATCAATGTT
GCTACTTCTAAGTTTTTTTTTTAGTGATTTCTCAGATTCCATTGGGGGAAAAGCTTGTAGATACTTCTCTCTCT
AAGGTGTGCTGTTGAGGTGTATTTTTGGTGCTTTGTTCTTTTAGAGTTGTGATTGAGAAGGAATCTTATTTTG

TTCAAAGGTTATTGTGTATTGATCTCTAGTATTCATTGGGATTTTGAAAAGAATAAAGAATACTTGAAGATCCC
TCTCAGATAAGAACCAATATGTGGATGAAAGGGTAAGTAATGAGATTTATTTTGAGGGTATTTGATTACTTGG
AAGAAACAAGCTCCCTTTTCTCATTTTTCTAACAAGCTATTGAGAAAAAGAGCTTCTACCCAAAAAGGATAT
CGCTTCATTGGTAAATATTTTGCCATGGTATTGTAACAATAAAATATAGTTGCTCGTGTGGTAGAT

>trans_s_12147NM_001058470|Oryza sativa Japonica Group Os03g0854100 (Os03g0854100)
mRNA, complete cds

AGTTTCAGTCCGATCTTCTTCTTCTGCCCATCCTCTTCTCAATTTCCCAAAGGTGGTGTTCGTTCAAGCACAC
CCCCTTGGGGATTTTTCTTTTCATTTCCCTTTCTAATGGCGTCCGACAGCTTTTCCGACAAGAACCTTGTTTTCA
GAAAACTCAAAGCCAAGTCCGAGAACAAGATGTGCTTTGATTGCAATGCCAAGAATCCGACTTGGGCTTCTGT
TACATATGGGATCTTCTCTGTATTGATTGTTCTGCCGTGCATCGCAGCCTTGGTGTCCATGTTAGCTTCGTCAG
GTCCACAAATTTAGATTCTTGGAGTGTGGAGCAGCTTAAACAATGAGCTTTGGAGGGAATAACCGAGCACA
GGTTTTCTTTAAGCAGCATGGATGGACAGATGGAGGCAAATTTGAGGCTAAATATACGTCTAGAGCTGCTGA
GTTGTATAGGCAACTACTTTCAAAAGAAGTTGCTAAAAGTATAGCAGAAGAGCCGGCATTGCCATCTTCCCCA
GTTACTTCTCAGTCAGACCTAGTAACAAATGGACCTCCCGATATCAAACTAGTGCAACGGCAAAGGACCATG
TCTCAGGAAAGCAAGAAGCTCCAGAAATTTCTGCTTACCAAAAAGCTTCTCAGACGGTATTCTCGAGTACTGTT
AAGAAGCCCATTGGTGGGAAGAAACCAGGAAAGACTGGGGGACTTGGTGCTCGAAAGCTTACTACAAAGCC
AAGTGAAAATCTATATGATCAGAAACCTGAAGAACCTACAGTTCCAGTTTCATCTTCAACGGCGCCCAAACT
GCTGCAACTGGTTCATCTTTGCATCTCGCTTTGAATATGTAGAAAATGTCCAATCATCTGATGTGAATTCTAGT
GGCTCTCATGTACTTAGCCATGTAGTCTCCCCAAAAGCATCGGGCTTCTTTGCTGAATTTGGAATGGACGGTG
GTTTTCCAAAGAAAGGCAGTTCAGTTCCTCAAAAGTGCAGATTGAAGAAAGTGACGAAGCAAGGAAGAAAT
TCTCCAATGCCAAATCTATTTATCAGCCCAATACTTTGGTGATCAAAACAGAGCTGATGCTGACGCTCAGGTC
TCCCTCCAAAATTCTCGGGCTCAGCTTCCATCTCTAGTGCTGATCTATTTGGTAACCAGCGAGATAATATTTCT
GCCGATCTTACTGCAACCGAGTTTATTAACCGGCTTTCTATTAGGCACAGCAGGATCTTTCTTCTCTCAAGAAC
ATTGCAGGAGAAACAGGGAAGAAGCTAAGCTCTTTGGCATCTACATTAATTACAGATCTTCAAGACAGAATCA
TTTGATTATTTCAAATGTTCCCTTTTCATTGTAGAATTTGGCTTGAACCTCGATACGGTTTTTATTACCAGCTGATT
TTATTACTGAGGAATGTAAAGAAATTTAGTATAAAGATTCTTTCGGAAAGCAACCTTTTACACAGGACTTGA
ATATTGCTGGTGGTCTTTTGTCTTTCTAGCTGCTGCAGTGAACATGTGCTTTAGTTCTACTTTTTTTGTAGCAA
ACAATACATACCAGATTTTCTCCACCAAACTTGGCATTCCCTATCTCACAAGAGCTTAGGACCTGAATTTGTAT
TGAGTTTTGGTTATAGTTGTGAAGGTATTATTGTATGTGTTTCAGTAATAATTTGAGTGCTATATTTAAATAACT
AANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12148NM_001067317|Oryza sativa Japonica Group Os08g0104900 (Os08g0104900)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTCTTTTTTCTGTTTTTTGAGGATTTCAATTTCAATGAATTAGAGAGAGAATTTCAAGTACGATC
CTCGGCAGAGATGCATGCCTTCTGCGTTTTTTCTACCCCAAATTCATCCGTTTCATATACTCTAACTTCTTCTGCT
TAAACCATTTATCACCTCTCAACTACGCTGAATTGGACCCTTCCTCCTCTCTCTTTCCATTTCCAAATTCAGG
TTCTATTGGGATTTTGCAGTTTCTCATTTCTGTGATCTGGGGTCTTACACTAGAGAGATGGAGGAAGCTCGGTT
GTGCCAGTGGACTACCATTAGATCTCTCTTTGCAATTTCTCAATGGTAGGGTTTCAATGTCACCGTCATTATCAT
GAACAAGTGGATCTTTCAGAAATTGGACTTTAAATTCCCTTTAACAGTGTCTTGTATTCACTTCATCTGCTCTGC
CATTGGAGCGTATATGGCGATTAAAGTGTTGAAAGTTAAACCACTTATTTCTGTTGACCCTGAAGATCGGTGG
AGAAGGATATCCCGATGTCATTTGTGTTTTGTATTAACATAGTTTTGGGGAATGTCAGCTTGCATTATATTCC
GGTTTCTTTTATGCAGACAATAAAGTCTTTACCCCTGCAACAACAGTTGTTTTACAATGGCTTGTATGGAGAA
AGTACTTTGACTGGAGAATATGGGCATCTTTAATACCCATTGTTGGAGGAATTCCTCCTACTTCTGTGACTGAA

ATGAGCTTTAACATGCTTGGGGTTTGTGCTGCCTTATTTGGTTGTTTGGCTACCTCCACAAAGACCATCCTTGCC
GAATCCTTATTGCATGGATACAAGTTCGATAGCATAAATACAGTCTGTTACATGGCACCTTTTCGCGACGATAAT
CTTGATGTACCTGCTATGCTCCTGAACGCAACGGGGTTCTTGATTGGCTTACACGCACCAATCTATTAGCT
CGTCACTCATCATATTTTCAGTTCTGGGGTTATGGCCTTCTGTCTTAACCTCTCCATATTTTATGTAATTCATTC
CACCCTGCCGTCACATTCAATGTTGCTGGAAACCTTAAGGTAGCTGTTGCAGTCCTTGTTTCATGGTTGATTTT
CCGAAACCCAATTTCAATGCTAAATGCAGTTGGATGTGCGATTACACTTTTGGGTTGTACATTCTACGGGTATG
TAAGACATCTTATCTCACAGCAGCCACCTGGAACCCCTCGAACTCCAAGAACACCTCGGACACCTCGGAGTCG
AATGGAGCTGCTCCCCCTGTAAATGACAAATTAGATGATAAGATCTAATTGGCTGCATTGCGGTTGATGTTCT
TGGTAGTTGGCACACCAATAGTAGAGAAAGGAGAGTACAAAAGATGAAAAGAATACAAAAGCAGAATACTT
GGGCTTGTTCTGTTCTGTTCACTTGTCTAGGCGACTTCAATTTTTTTCTTCATAATGCTATCTTTTATCTCCCC
GCCACATATTTTGTGTTTGCAGCTTTAGCATATCAAAAAGCGACTGATATTACCTTTTATTATTAGTTAAATC
ATGCCTCTGATTAAGAGGCAATTATATTAGAGTTCCAATCATTTTTCTTCTTAATCTTGCTTTCTCTATTCAAATT
CTAAACCAAAACAGAAAAAATTTCAAGGTTTCTGACGTGGCTTTGCTTGGAAACAATCTGGTTCCAAATTCA
TCTGAATGGATCAATTATTATATCCTATTGGAATGAAAGATATGAATTTCTGAT

>trans_s_12149NM_179719|Arabidopsis thaliana serine carboxypeptidase S28 family protein
(AT2G24280) mRNA, complete cds

AACTCCCACTCATCTCCAACAATGGCCGCTGCTCCATCCATTTCCCTTTCAATTTTCTCTTCCCTTCCCTCCATT
CACTTCTTCTTCTCCAAAATCCCCCTCCCTTCCATTCTCCCTTCTCCTTCGCCCTCAGACTCCCCCAATCGATC
CCCTCCTCCCCTACCAGACCGGCTTCTTCACTCAGATCCTCGACCACTTCAACTTCAATCCCCAAAGCTACCAAT
ACTTTCAACAAAGATATCTCATCAACGATACCTATTGGGGCGGCGCTGCCATAATTCTCCCATCTTCGTTTACA
CCGGCAACGAAGGTAATATCGAATGGTTTGCACAGAACACCGGTTTTCTTCTCCAATCCGCTCCACGTTTCCGT
GCACTCGTCGTTTTATCGAGCATAGGCTTACGGGAAATCGATTCCGTTTGGGGGAGATGAAGATGTGGCTA
ACAGTAATTCAGTACGCTTGATTTTTGAGCTCTACTCAGGCCTTGCGGATTATGCTACTCTCATTACCGATT
TGAAGAAGAATTTGTCGGCGGTTGATTCTCCGGTTCTGGTCTTTGGTGGCTCTTATGGAGGAATGCTGGCAGC
ATGGTTTAGATTGAAATACCCCAATTGCCATGGGAGCTTTAGCATCATCTGCTCCATTCTCCAGTTTGAAA
ATATTACTTCTCCCTATGCCTTCTCCAACATCGTCACCCAAGATTTCAAGAGTGAGAGTCAGAACTGTTACAGG
GTGATTAAAGAGTCATGGCATCTGATTGACATCACTTCAACCCATCCACAAGGTCCCCAGTTGCTTCGCAAGTC
TTTCAAATTTTGCAAGGAGGCGGAGGCAGAATCGATTAAAACTGGTTGTCGACGGCAATATTGTACACGGC
AATGACCGATTATCCCACGCCCTCAATTTTTTAAATCCCTTGCCAGCTTATCCAGTTAAACAGATGTGCAAGGC
AATTGACGATTCAAGGACTGGGAACGACACGTTTGCGAAGTTGTATGGTGGGCTAACGTCTATTATAACTAC
ACGGGCACCGCTACGTGTTTTGATCTTGACGATGATTCTGATCCTCACGATCTTGAGACTGGACTTGGCAGG
CATGTACGGAAATGATATTGCCAACAGGTGGTAACACAAAAGAAAGCATATTTCCAGCCTCAACATGGCACTT
TGCAGATCGACTCCATTTTTGCAAAACCTTCTTTGACGTTGAGCCTCGCCGTATTTGGATCCCCACACACTTTGG
GGGCCATAATATTGAGAGAGTTCTGAAGAGGTTTGAAGCAACATAATCTTCTCAATGGCTTGAGAGATCCT
TGGAGTGGTGGAGGGGTGCTCAAAAACATATCCTCAACTATAATAGCTATTGTGGCAAAGGAAGGAGCTCAT
CATGTAGACTTGAGATTCTCAAGTGCTGAAGATCCAAATGGTTGAAAGATGTGAGACAGCAGGAGCTGAGT
ATTATTGAGGATTGGCTTTCCCAATATTACTTGACTTGCCCAATATTGATATCTTATCCTGCCACATGTTTA
TATATAGAAGGCCCAAACACGAAGCCCACTCAAATGATGGAGGAAATACGTCTTTCTACTTCATTGTTTTTCAA
AATAATAAATCAAAGCCATTGAGGTAAAGATTCCAAATGTTTATTGAATACTTCATGTTTTAAATGTTTTCTAA
ATAAGGAGATGCTAGCCAAATAAATTTAGCTCCACGCTATNAAATTTATATGAACTTTCATCTT

>trans_s_12150NM_117987|Arabidopsis thaliana BIN2 (BRASSINOSTEROID-INSENSITIVE 2);
glycogen synthase kinase 3/ kinase/ protein kinase (BIN2) mRNA, complete cds

CGGCACAGAGTAAGACTAACTAAGACACGAGCAAAACGGATATGGCGGCATCTATCGCTTTGCCACCTTCCAC
TAAACTACACCAAAATCATTTTCACCATTCAAGCTTCCGCGGTAGCCCACTGCCACCTTCTGCCTTTCCCTGTAG
CTCGATCAAACAGAAACAACATGGTTCAAAGACTTATCTCACGAAAAATCAGTGCGAAGTTTGAAGTGAAGCCT
CCCCCATATCCTCTGGATGCTTTGGAACCACATATGAGTCGTTCAACCCTTGAGTATCATTGGGGGAAAACATCA
CAGAGCTTATGTGGACAACCTTAACAGACAGATAGAGGGAACTGAGCTGGAGGAATTATCACTAGAAGATAT
CATAACTAAAACATACAAAAAAGGCAATATCCTTCAGCAATTCAACAATGCAGCGCAGATCTGGAACCACGAT
TTTCTCTGGGAGTCCATGAAACCTGGGGGAGGAGGGAAGCCAACAGGGGAACTCCTAGAACTAATTGAAAG
AGACTTCGGTTCTTTTGAAAAGTTTTAGAGAATTCAAGTCTGCTGCTGCAACGCAGTTTGGTTCTGGTTGGG
CTTGGCTTGCATATAAGGACAACACGGTTGACCATCCACGTCCATCAGAGAAGGACAAAAAACTCGTTATTCT
AAAGAGTCCTAATGCCGTTAACCACTCGTTTGGGACTATGCTCCACTTCTTACAATCGACGTCTGGGAGCATG
CTTATTACTTAGACTTCCAGAATCGGCGACCTGATTATATATCAACTTTTGTTCAAACCTCATATCATGGGAAG
CAGCAGACTTGAGGCTGCAGAAAGCCAAGGCTGAAGCTGCTGAAAGAGTTAAGAAAAAGAAAAGAAAAAG
GAGAAGAAAAAGAACGAAGGTAGCGACGAAGAGGTCTACGTCGACAACAGTTCAAGCGAGTCGGATTCCGA
TTCTGACTAAAATTTGCTTCTCTCTCTCTGGGTACGGTGTTTATAAAGGTGCATACCATATTTTATTTCTATGC
TCCGCCGAGTCTTGTTGTTTGTGCTGTGATCAGTTAGTAGACTTTTGAGTCATTGGCTGTAAAGTGAGCATGA
AGTGTGTAATTTTGTAGTTTGAGAGAATGCATTATTGTAATAGAACTACCAGAACATAGGGACTTTTACTTCCA
CTTTATGCATATAGAATGTTATGGTCCTTTGGGAATAAGTATTGAATAATTAAATTATGTTTTAGCGTTTAGA
TTAGATTTCCATGTGTTATATTTTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTTTAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCC
GCCCCCCCATCCCCCCAAAGGGGGGTTATAAACCCCCCCCCCGGGCCCCTTTTTAAACCCCCGGGGGGGG
AAAAACCCGGGGTTTCCCCATTTAATCCCCTTGAAAACCCCCCCTTTCCCGGGGGGAAAAAAAAAAAA
AACCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCACAATTTCCCCCCCCAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTTTAGGCCCCCT
TTTAAGCGGGGGGGGGGGGGGTTTACCCACAGGGGGCCCCCTTTTTTGGCGCCCCCTAGCCCCCTCTTT
TTTTTTTT

>trans_s_12151XM_002517166|Ricinus communis Acyl-CoA synthetase, mRNA

ACGTTACGTCTTCTTCTACTGATTTGTTTTCTTGCTCATCATACGGATCACAACTTCTGTTTGTGGATAATCGAA
CGATTAATTTTTCTTTCAAATAATCAGAAAGCTATTATCCGAATCGCTGTTGCCGTCATTGTACCGTCACCTA
CCTAAAGATGCGTGCCTGTTTATTAATCTATCCGTGATCGGCTAGATTTGTAGTGCGGATTGAAATCTTGGC
TGCTTATGGATTCTCAGCGGCTCGACGTCGGATACAAGCCATTACAGATCATCTGTTCCCGCCGGCGAATTC
TCTTCTTCTCAGCTCCGGCTTAATGCAACTGCTGGCGAGTTTTTTAGCGGGGATGGCTACAGCGTTGTGCTTCC
AGAGAAATTGCAGACTGGAATGGAATGTATATAGATCTGCTCGCTCTCCTTTGAAGCTTGTGGATAGATTT
CCAGATCATCCGAAATTGGTACATTGCACGATAACTTTACGCGCTCAGCTGATGTATATAGAGACTATAAAT
ATCTAGGTACCCGAATCCGATGTGATGGAACAGTTGGAGAGTACAAATGGATGACATATGGAGAAGCAAGTA
CTGCTCGGACAGCATTAGGTTCTGGTCTAGTATTTGAAGGCTATGGAATGACAGAACTTCTTGTGTTATAAG
TGCCATGGATCCAGACGACACCTTTGTGGTCATGTTGGGGCTCCTAATCCGGCTTGTAATAAACTTGTG
GATGTTCTGAAATGAATTACACATCCGATGATCAGCCTTATTCTCGTGGTGAGATCTGTGTCAGGGGTCCCC
TGTTTTCAAGGGCTATTTCAAAGATGAAGTGACAGAGGGAAGCTGTTGATGAAGATGGCTGGCTTCATAC
AGGAGACATTGGATTATGGTTGCCGGGTGGTCGTTTAAAGATTATTGACAGGAAGAAGAACATCTTTAAGTT
GGCACAGGGAGAGTACATTGCACCAGAGAAAATTGAAAACGTGTATGCGAAGTGCAAGTTTGTGCGCCAATG
CTTTGTTTACGGTGATAGCTTTAATGCATCTCTGGTAGCTGTAGTCTCAGTTGATCTGGATACGTTGAAAGCAT
GGGCTTCTTTCCGAAGGCATTAAGTATAATGATTTAGCCCACTCTGCACTGACCCAAGAGCACGGGCCGCTG
TATTGGCGGAGATGGATGCCGTTGGAAGAGAGGCACAGTTGAGAGGTTTTGAATTTGCAAAAGCTGTCACTT
TGGTCCATGAGCCTTTCACTTTGGAGAATGGTCTTCTCACTCCTACATTTAAGATCAAGAGACCCCAAGCCAAG

GAATACTTTGCAAATGCCATATCCAATATGTATGCCGAGCTTGCTTCATCAGATTCATCCTCCCAGAAAATGTA
GCAAAC TGAAAAACTGTTAGTCTTTCTTCATTCCTTTCTTCTTCTTGAAAAATTATAGCAAAGTTGAATCTCT
TAAGATCTCGAAAAACAAAAACACGAGCCCCCTTGGAAATCGATCTATGAGATCGGAGCATGAACACTCCTGTTT
GTTACATGGTGCTCTTCTTGCTGTACCATAACATCAGTGTGAGCCACTGACATCTCCAAGAACATACCATTG
CTAAGTTATCCGATTGATTGGCCAAGAAAGAGGACGATGGAAATCAAATCATTATTATTTACATACTGGAAT
AATTTATGATATTCATCTAATTGAATAAATTTGGTTACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12152XM_002325820|Populus trichocarpa vitamin-b12 independent methionine
synthase, 5-methyltetrahydropteroyltriglutamate-homocysteine (MS4), mRNA

ACATATTTTGCTGATATCCCTGCTGAAGCATACAAGACCTTGACTTCTTTGAAGGGCGTCACTGCCTATGGATT
TGATTTGGTTCGTGGAAC TAAGACACTTGATTTAATCAAGGGTGATTTCCCAAGGGAAAGTTCCTCTTTGCTG
GAGTAGTTGATGGAAGGAATATTTGGGCAAACGATCTTGCTGCCTCAGTCAGTGATTGGAGGAAGTAGCTG
GCGTTGTGGGCAAAGACCATCTTGTTGGTCTCCACCTCCTGCTCACTTCTCCACACTGCTGTTGACCTGTCAAC
GAAACTAAGTTGGATAACGAAATTAATCATGGCTTGCTTTGCTGCTCAAAAGATTATTGAGGTCAATGCATT
GGCAAAGGCTTTGGCTGGTAACAAGGACGAGGTATTTTTGCTTCTAATGCCGGAGCTCATGCTTCAAGGAAG
TCGTCTCCAGGGTGACCAATGAGGCTGTT CAGAAAGCGGCTGCTGCTTTGAAGGGTCCGATCATCGCCGTG
CTACGAATGTTAGTGCAAGACTTGATGCTCAACAGAAGAACTTAACCTTCCAGTCTTCCACCACCACCATT
GGATCCTTCCCTCAAAC TGTTGAACTCAGGAGGGTTCGCCGTGAATATAAAGCAAACAAGATCTCTGAGGATG
AATACGTTAAGGCTATTAAGGAGGAAATTAACAAGGTTGTCGAGCTCCAGGAAGAGCTTGATATTGATGTCTT
GGTTCATGGAGAGCCCGAGAGGAACGATATGGTTGAATACTTCGGTGAGCAGTTGTCAGGTTTTGCCTTCACT
GTTAATGGTTGGGTGCAATCATACGGATCACGTTGCGTGAAGCCTCCAATTATCTATGGTGATGTGAGCCGCC
CAAAGCCCATGACTGTCTTCTGGTCAACCACAGCTCAGAGCATGACATCCCGCCCGATGAAGGGAATGCTTAC
TGGCCCTGTCAACCATCTCAACTGGTCCTTTGTTAGAGTCGACCAGCCAAGGTTTGAGACTTGTTACCAGATTG
CTTTGGCCATCAAGGACGAGGTTGAGGATCTCGAGAAGGCTGGAATTAATGTTATCCAGATCGACGAGGCTG
CTTTGAGAGAAGGGTTCCTCTTAGGAAGTCTGAGCAAGCCTTCTACTTGGATTGGGCTGTTCACTCTTCCGT
ATCACGAACGTTGGCGTCCAAGACACAACCTCAGATCCACACCCACATGTGCTACTCCAACCTCAACGACATCAT
CCAATCCATCATCGATATGGATGCCGATGTGATCACAATTGAGAAGCTCTCGCTCCGACGAGAAGCTCTTGTC
GTCTTCCGCGAGGGAGTGAAGTACGGTGCTGGAATCGGACCAGGTGTGTACGACATTCACTCTCCAAGAATA
CCATCAACTGAAGAGATTGCAGACCGCATCAACAAGATGCTTGCAAGTGTGGAGACAAACATCTTGTGGGTG
AATCCTGACTGTGGACTCAAACCTCGCAAGTACGCCGAGGTGAACCCAGCCCTGAAAAACATGGTGGCGGCT
GCAAAGCTTCTCCGAAAAGAGCTTGGGAGTGCTAAGTGAGTTTGAGTTCTTGTTGGAGGTTGTTGAGTGAGT
ATCCAACCGGTCCCTTGAAAAAAAAGGAAAGAGATGAGTTTGTTTTGTTGTCTAAATAACTGAGTTGCGA
AATGTTTAGTAGTGTTAGGTGTGCTCTTGGGAGCAATTCTTNGCTTCGATATTCTCTCTATATCTGTTTTT

>trans_s_12153NM_001059952|Oryza sativa Japonica Group Os04g0534500 (Os04g0534500)
mRNA, complete cds

ATCTAAAACGTATTTGTAAAAATCTCGGTTTGATATTCTCTCGATTACTGTTGCCGATTCTTGAGGCACTTGCCC
TAACACCTACCACTCGTTCAATCGGGTAACAATTCTTATTTCTTCCCAATTGATCGGTGGATTACACTATATTT
CAATTGCTCGACCGCCCCAAAAGCAACCAGCTGATTATAATTCTTCTAACTGTTCCGATTCCATTTCTCAGCTGG
GTTGCTGTTAAGACTTTTTAGATAATGGAAGCATAGTTGGTATCGACAGTTTGTTGGACTAACTATGAATCA
AGCTGTGGTATCAGCATCATATCCTACATATATTACCATACCCCACTACCACCATAAAAACTCAAGACATCCAA
GTCCTCAAAGGTGCTCAATGCATCAACTCTCCATTCGCGTTTTATGCATTCTAGACATCCTCCAATTTGTTGCAC
ACAGACAAATCCTTGGAACCTGCACCTGTCACATTTGCTCACAACAATAAAGAGGATGAGACCTTCTTGAAG
AAAACCGACAATATTTTTGAAAGTCTAAATGCTGATAGAACAACCTGAAGTTTCGGAAGTAGAGACTAAAGAAC

TTGTGGAGGCAAGTAATCAACCAGAGTTGGTGCATTTGCAGATTTTCAAATGGCCAATGTGGCTTTTGGGGCC
TTCTCTTCTCTTAACAACAGGGATGGCCCCAACATTGTGGCTTCCTATGTCATCTGTATTTCTCGGTCCCAATGT
AGCCAGCCTCCTCTCTTTGATTGGACTTGACTGCATCTATAACCTTGGTGCTATGCTTTTTCTTCTCATGGCTGA
TGCTTGTGCACGGCCTAAAGAACCAATAAAACCCATGAGCAGTGAGGCTCCTTTCAGTTACCAATTCTGGAAC
ATACTTGCTAATGTGGTTGGATTTATGATCCCTTTAGTGATGTTTTATGGATCTGAAAGTGGGTTGGTTCAACC
CCATCTGCCTTTTCATCCCCTTAGCAGTTCTATTGGGTCCCTATATTCTGCTCCTTTCAGTACAGATTTTGACCGAA
ATGCTGATATGGCATTGGCGATCCCCTGTGTGGCTGGTTACTCCAATTGTATACGAAGGTTATCGAGTTTTGCA
GCTGATGAGAGGGTTGAAACTTGGGGCTGAGCTCAGTGCACCGGCCTGGATGATGCACACAATGAGAGGAT
TGGTTTGCTGGTGGGTGCTCATACTTGGTATTCAGCTCATGAGAGTAGCTTGGTTTGCGGGTATAGCTGCCTC
CCTATCTCATAAGCAGGAAATTGTCATAATGGTTCGTGATACCGCCAATCTATCACATAAAGGTGAGTTTAGG
ATGACTTTTGAGAAAAGAAAAAATGTTTTTAAGCAAACACACTACTTCTAGAAGAAGCACGACCAAGTG
CTTTACTTAATACTAAACCAAGTCTAGTGTTCTTAAACTCCAATGATTCCATACCTATCCTTAATAAA
TAGGATATACTTCTATTTTGATATGAGATTTGTACAGAATTAAGGTCTTAAAGACGTGCCGCAAAGAAGTTTA
GAAATAGGCATAGTACTATACGAAACTAGGGAGACATAGTTGTTGTATATGTTGCCTGTTCTTATTACTCACA
GAATTAGTAGTTTATGAAAGATTGTAATATATAAAAGAACATAATTTTTGTTGTTGTTAGTTTGATATAAA
TGAATCACAAAATTAATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12154EU373019|Gossypium hirsutum gland development related protein 27-like mRNA,
complete sequence

AAAGGAAATTGGTTCATACAGGAGAAGAGCTGTAAATACTTGCGCTGATAGTGAGTGCTAGACCGAAAACT
CATGATGGAAGTTTTGCAAATGATGATGCCTCGAACTCCAAGAACAAAAATACTACCATTGATGATGTTTTGG
ATGGACTGGTGAAATGGCTTTGTGCACAGCTGAAGAATCCTTCACATCCTAGTCGTGCTGTACAGACTTCTATC
AATTGCCTTGCAACTCTGCTGAAGGAACCAAGGTCAGATCCTCCTTCGTTGAGACAGATGGAGTGAAATTGC
TTATTCCTTTGATTTCTCCTGCATCGACCCAACAATCTATTCAGTCTCTATACGAACTTGTCTGTGTGTTTGGCT
CTTGTCATATTATGAGCCGGCAATTGAATTCTTGGCCACCTCTAGGACCCTTCCAAGACTCATCGATGTTGTCA
AGAGTTCTACAAAAGAGAAGGTTGTCCGAGTTATTATTTGACCTTGAGGAACCTACTCCACAAGGGGACATT
TGGAGCTCAAATGGTGGGTCTTGGACTACCACAAATTTGTTCAAAGTTTGAAATCACAAGCATGGAGTGATGA
GGACCTTTTGGAGGCTTTGAATCACTAGAAGAGGGGCTGAAAGATAACATCAAGAACTAAGTTCTTTGCGAC
AAGTATAAGCAAGAAGTCCTTCTTGGGCATCTTGACTGGTCTCCTATGCACAAAGATGTCAACTTCTGGCGAG
AAAACATAATGAGCTTTGAAGAGAACGATTTGAAGATATTGAGGGTTCTAATCACAATTCTGGATAGTTCCAG
TGATCCAAGGGCTTTGGCAGTTGCTTGTGTTTATCTTTCTCAGTTTCATTCAACACCATCCAGCTGGGAGAGTTA
TAGTGACAGATCTCAAGGCCAAAGAAAGAGTGATGAAACTGATGAATCATGAGAATGCTGAGGTTACCAAT
ATGCTCTCCTTTGCATTCAAAGGCTCTTTCTAGGTGCCAAGTATGCGAGCTTTCTACAGGCTTAACCTCGTCCTC
TCTCCATTTGCGTGTAAGTTATAATAAAATCCATCTACTTGAACACACCCACCCCCAGTTGCTGGAGCTAAAAG
GGGTTCTTATTAATTCTATTTAAGTAATTATCTTCTTAAATTTTTGGTGTGATTCAACTAGAGATTTTATTCGTT
TCTTTGCATTCCCAGATTGTTATTTGGGTATATTGAATAAAGTCACCAGTTTTTCATACCTTGTATTTTACCTTTT
GTTGTGATTGATTTGAAGAAAAGTGAAGAGATCTTTTGAGATAGTGAGTTGAAAGCTAAGTAGAAATTTCT
TTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTTATCAAACCCGCCAACCCCAAGGGGGGGGCC
GGACCCAATTCCCCAAAAGGGAGTCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCTTTTTACAACGCCGGGACGGG
AAAAACCCGGGCGTTCCCAATTTAACCCCTTGACCAAACCCCCCTTTCCCAGTGGGGGAAAAACCAAAA
AGGCCCCCCCCCAATCCCCCTTCCAACATTTGCCACCTGAAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGAACCGCCCC
ATTAACCCCGCGGGGGGGGGGGTTACCCGCACCGGGACCCCAACCTTTGCCAGCCCCCAAGCC

>trans_s_12155AB190774|Mesembryanthemum crystallinum PTL2 mRNA for plastidic phosphate translocator-like protein2, complete cds

ACCCATTTCTCCAATTTCTCCAATTTCTCCAATTTCCCCCTTTCTCTTTCTCTTTCAACTCTCTCCCCATTTCCCCT
GTTTCAATTTCTTGCCCTCCATGGAGTTCTGTTCTCAGATCCATGGAAACCTCACCTTCATTCTTTGTAATGTG
TCTCTTCTCGTTTCATTTTTGTAGATTTGACTTTCAGATCCATGTTCTAGTGTACCAAATCGGAGCTTCAACCT
AAGCCTTTCAGAAATCGCCGCCCCACGATCCAGACCGACAGCCGAAATGAAGGGTTCGAGTCGTTTCTTCACG
ATCGGGCTAGTAACTTCGTGGTACTCCTCCAACATTGGTGTCTTTGTTGAACAAGTATTTGCTGAGCAACTA
TGGGTTCAAGTACCCGATCTTCTTGACCATGTGCCACATGACGGCTTGCTCTTTGCTTAGCTATGTTGCGATTG
CTTGTTGAAGATGGTCCGATGCAGACGATTGCATCTCGGATCCAATTTTTGAAGATTGCTGCTCTTAGCTTT
GTCTTCTGTATTTCTGTTGTCTTTGGTAACATTTCTTAGGTATTTGCCGGTTTCCTTCAACCAAGCTGTTGGG
GCCACCACGCCCTTTCTTACGGCGGTTTTGCTTACCTTATGACGATGAAGAGGGAAGCTTGGCTCACTTACGT
TACTCTCATCCCTGTTGTTACTGGGGTCATTATTGCTAGTGGGGTGAACCGAGTTTCCATCTGTTTGGATTTAT
AATATGTGTTGCAGCTACAGCCGCAAGGGCACTCAAATCAGTACTGCAAGGAATTTTGTCTCTTCTGAAGGA
GAGAAGCTGAATCCATGAATCTTCTGTACATGGCTCCTATAGCCGTTGTCTTCTGCTGCCTGCCGCACTA
TTTATGGAAGAAAACGTGGTGGTATCACTCTGGCTCTTGCTCGAGATGATAAAAAGATCATCTGGTATCTGCT
ATTCAACTCTTCACTTGCCTATTTGTAACTTGACCACTTTTTGGTTACCAAGCACACCAGTGCATTGACACT
TCAGGTGCTCGGAAACGCAAAGGGTGCTGTTGCGGTGGTGATTTCATTTTGATTTTCAGAAATCCAGTCTCT
GTCACTGGAATGCTTGGTTATGCCCTCACAGTTATGGGAGTCATCCTCTATAGTGAATCAAAGAAAAGAAGCA
AATGAGAACAATGCAACTGAGGTGCACCTTCTCTATAGTTTTCTTTTTTGCACGGTGGCAGCAGTCGTCGA
GTACCAGAGGCAGCAGCATGTGTAGATCGACCATTGACTATAGCCTCCAAATTCTTCTCCCTCCCCACTGAAA
AGCTTATTAGCTTAGGCATTGGTTTATTTGTATCATCCTCCCAAGATCTGTCACAAAATAGAAATTTAATAA
GGAAGAATTATGGGGTAAAGTTTTACTTCTTTAGAAAAGGATTAATAGAATTGTTTATTTCAAAAAGTCGACT
GTTATTGTCACTCCTTGATCAATTAAGGGGGAAAAACAACCTTATCTTTTACCATTTTGGTACATTATTTTGT
AATTCCAAGTTATACTGAACTTTATTTGAGAGTCATTTGTTTGTGTACACTGGAAAAAAGAAACAAATCTA
CTTGTCATTTCTCCTTCATGGTCAGAGGATTTGAGAATCCCGACTCCAAAATATTATCTGAATGAAGATTCTTA
CAAAATATTCCAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12156AY345608|Gossypium hirsutum beta-tubulin 6 mRNA, complete cds

GTCGATCCATTTTCATCGATACACAGAACAAGGACAACAACAAGAGCCTTCTCTTTCTTTCCATTTCTTACA
ACAAGACACCATGAGAGAAATTTTCACGTTCAAGGTGGCCAATGCGGCAACCAAATCGGATCCAAGTTCTG
GGAAGTCATTTGCGATGAGCACGGTATCGACGCCACCGGTAAGTACAACGGCGATCCTTCTTCTGATCTTCAA
TTGGAGAGGATCAATGTCTATTACAATGAGGCTTCTGGCGGTAGATACGTTCCAGGGCTGTTCTCATGGATC
TTGAACCTGGTACCATGGATAGTATCAGATCCGGTCCCTACGGTCAGATCTTTCGCCCTGATAATTTGTTTTT
GGTCAGTCCGGCGCCGAAATAATTGGGCGAAAGGTCATTATACCGAAGGAGCTGAGTTGATTGATTCCGTT
CTTGACGTTGTTGTAAGGAGGCTGAGAATTGTGATTGCTTGCAAGGTTTTAGGTTTGTCACTCCCTTGAG
GAGGCACTGGTTCTGGGATGGGAACCCTGTTGATATCAAAGATTAGAGAGGAATATCCAGATAGGATGATGC
TCACATTCTCGGTTTTCCCTTCTCCAAGGTCTCAGACACGGTTGTGGAACCATATAATGCCACTCTTTCAGTTC
ACCAATTGGTTGAGAATGCAGATGAATGCATGGTCCTTGATAATGAAGCTCTTATGACATTTGCTTCAGGACC
TTAAAGCTCAGCACTCCTAGCTTTGGTGACTTGAACCATTTAATCTCTGCAACCATGGGCGGAGTAACATGTTG
CTTAAGATTCCCAGGTCAACTGAACTCAGACTTGAGAAAATTGGCATTGAATCTAATTCCATTCCCTCGTCTTCA
CTTCTTCATGGTTGGATTGCTCCACTAACCTCCCGCGTTCCAGCAGTACATCTCCCTCACTGTCCAGAACT
AACCCAACAAATGTGGGACGCAAAGAATATGATGTGTGCTGCCGACCCACGCCACGGCGTTATCTAACCGCC
TCGGCCATGTTTCAGAGGAAGAATGAGCACGAAAGAAGTAGACGAACAGATGATCAATGTACAAAACAAAAA
CTCATCCTACTTCGTTGAATGGATCCCAAACAACGTGAAATCAAGCGTTTGTGACATACCTCAAAGGGGCTG

AAGATGGCATCAACATTCGTGGGAAACTCGACCTCGATTCAAGAGATGTTTAGAAGAGTGAGTGAGCAGTTC
ACGGCGATGTTTAGGCGCAAAGCTTTTCTGCATTGGTACACAGGGGAAGGAATGGATGAAATGGAGTTTACG
GAAGCAGAGAGTAATATGAATGATTTGGTGGCTGAGTATCAACAATATCAAGATGCTACGGTTGATGATGAT
GCTGATTTTGATGATCGTGATCACGATGACGAATATGTGACCAGTAAAAAATGGTTTTTACTATTATCTCTGC
CTCTTTTACTGCTTTCGTGAAATATTATTCTTCTTGGGTTTGATAATGCCTGCGTGATTGATTGTTATTTTCATC
TTCCATTTTGGTTTCCAGTTGAATTCCTTGTGTTTATTTTCATTGGATTTCTTGCTTGTGTTTTTTCTTTTTCTTT
TAATTTCTCCATCTTATTTGTTGGGTATTATTAGTAGTTGTGTTTGTCTTTCTATTTAATAAGATAATGTCAAT
GTGCAGTCTATTTTTATTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12157XM_002894519|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata LEM3 (ligand-effect modulator 3)
family protein, mRNA

AAAGCTTTTACACACCCAAAAGGAAATCCAGTTATTATGAGTTCGAATACCGCGTCTAGCTCGAACGATGCAT
CATCTAATAGAAGGAATTCGAAACGACCCAAATATTTCGAGGTTTACCCAGCAGGAGCTTCAGCGTGTAACCC
TATTCTCACACCAAGATGGGTGATTTCCGCATTCATGTTAGTTAGCATTATCTTTGTTCCATTGGAGTTGCTTC
CTTGTGTTGCTTCCAGAGATGTTGTTGAAATAATCGATCGCTATGAAACTGAGTGTATACCAGAAAGGTTTAGA
AACGATAAGGTCGGATTCAATCAGGGCACTGCAATAAAATTTGCCGCAGAAACATCACTGTGCCAAAACGTA
TGAAGCAACCAATATATGTCTATTACCAGCTTGACAATTTCTATCAGAATCACCGCAGATACGTGCAGAGCCGT
AGTGATAAGCAATTGAGAGATCCTGGCAGCGAGCGTGATACAAGCTCTTGCAAACCTGAAGACAACCTGGAAT
GGGCAGCCAGTTGTTCCATGTGGTTTGATAGCATGGAGTTTGTTAATGATACCTACAACCTCACCCCTAATAA
AAAGCAAGTCGCTGTTAATAAGGTCGGTATCTCATGGAAGAGTGACAGGGAACACAAATTCGGCAAGAATGT
ATTTCCCAAGAACTTTCAGAAAGGCAATTTTACAGGAGGCAATCCCTTAATGAAAAAGTGCCATTGAGTCAA
CAAGAGGACCTTATTGTGTGGATGCGAACGGCTGCTCTCCACGTTTCAGAAAGTTATATGGAAAGACAGAG
GTCGACCTTGAGAAAAATGATGTAATTGATGTGGTTTTGGAGAACAATTACAACACTTACAGTTTAAATGGCA
AGAAAAAGCTTGCTGCTTCTACAACCTAGCTGGCTTGGTGGGAAGAATGACTTTCTTGGCATTGCTTATCTTACT
GTTGGTGGGTTATGCTTCTTTTTGGCAATGGCTTTCACAGTCGTCTATCTTGTTAAGCCAAGGCGACTTGGGGA
CCCATCATACCTGTCATGGAATAGAAACCCTAGTGGGCACTGAAGCAGGAGCTGCTAGAACACGGTTTGTTGT
AATTTTATTTGTAATATTATTTTGATGTGATCATATAAAAAACAAAGGAAAGAGCAGGATGTTGGACAGATTT
GTTGTAATGAACTTCTGTTTTCTTTTTATATGAAATGTGGTGGTGTGAGTATCAGATTATAGTGTAACTTCAAA
TGCAGTATCTCATTATGTTAATAGTTTGTCCCTTCTAAATCTGATCAATAACTACTTTTACAACCTGCAATAAGT
TGGGGGCAGAGAGCTCTAAAGTTCATAGCACTCGTAGAAGAATGTTTGAAAGATAAGCACCTCTGGGTAAC
TAGGGTCGATTGGGTGATCACATGCTGCTCCTGCTGGTCGTAGAACCGTAATCTTCTTTTTGGCCATTGATGCT
GCACCTGTTTAAAAGAAGGAACAAGTACAAACCAGTTTAGTTTCCTTTAAACATGCTGAATATATTCTATTGG
AACTGTTGTTTTCTTTCTCAGTGATCTGAATGATATTATCCTAAATGACTCATAGTTGCAAACCTACAATCTTGG
TATTGCTTGACGTATTGTTTTAAGTCAAGATGATGGGAAGAACTATAAAATAACACGTAATAATGTGGAAC
TAGACTTGCTGAAGTATTTGCAAGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12158AB359916|Solanum lycopersicum LeGABA-TP1 mRNA for gamma aminobutyrate
transaminase isoform1, complete cds

GGCATGATATGCTTGCGCCTTTTACTGCAGGATGGCAGACCACCGATGTTAATCCACTAATTATAGAAAGATC
GGAGGGTTCATATGTATATGACATTGATGGAAGGAAGTACCTTGATTCTTCTGCTGGTCTATGGTGACATCTT
TAGGGGGAAATGAATCACGACTTGTGGCAGCTGCAACGGCACAATTAAATACCTTGCCATTTTACCACTCCTTT
TGGAATCGTACTACTAGGCCTTCTTTGGATCTAGCGAAGGAACTACTTGAAATGTTTACAGCTAGAAAAATGG
GGAAAGTATTTTTGTGAACAGTGGCTCTGAAGCCAATGATACTCAGGTCAAGCTGGTGTGGTACTATAACAA
TGCACTTGGAAGACCTGATAAGAAAAAGTTCATTGCACGCTCAAAGGCGTATCATGGTTCAACATTAATATCA

>trans_s_12159NM_001055991|Oryza sativa Japonica Group Os03g0230300 (Os03g0230300)
mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_12160AB036420|Citrullus lanatus mRNA for DIP-1, complete cds

AAAAGAAAGAAAAAGTTCGAACCTTTCCTGTTTCGCCATTGTTCTTCCCTCTTCAGATTTAGAGTTCACAATCTC
CTTCTTGATTGAGTTTCTTATACGTAAAACAGTTTCCTTGTTGTACCACATCAATGGGTTCCGTGAAAGAAATTA
TTGGTGAACCTGAACAAAGAATCCTTCGTCTCTTACTCTCCAAGCTCATCGGCGAGGCCAGTTTCGTCCAAAAC
AACCCAAAAGAAAACCTGATTCTCAAGAAGATAAGATCGTTAATCACGTCCTTGATGTTCTTAACCCTTACAG
TACTGCCAATGGCGGACCCTTGCTAATCAACCATGTTAGCTACGCTCCTGGCCGTGGAAATTTGATTGTGGAG
TATCCTGGGACTGTATCTGGAAAAGTAGTCTCCTTTGTTGGTAGCCATATGGATGTTGTCCCTGCCAATCCCGA
TACTTGAAATTTTCTCCATTCTCATTGAGTGTTGATGGGGATCAACTTCGGGGTCGTGGGACAACCTGATTGCT
TAGGACATGTTGCCCTTCTAACTGAACTTCTCAAGAAGCTTGACAAACTAACTAAAGTTGAAGTCTCCGTT
GTCATTGTATTTATTGCATCTGAAGAGGACAATTCTATCCCAGGAATTGGAGCTGAACAACTTGCTAAAGAGG
GATACTTTGCTAATTTAAAGGAGGGGCCACTATTTGGATTGATACAGCAGATTACAGCCTTGATTGGTACT
GGCGGTTCAATACCTTGAAACTTGTTGCAACTGGAAAACCTTTCCACAGTGTTTGGCACACCAGGCTATTA
ATGCTATGGAGCTTGCTATGGAAGCTCTTAAAGTGATTCAATTACGCTTTTATGAAGATTTTCTCCCATACTA
TGGAACAGGCATATGGATTTGCATCACCATCAACCATGAAACCAACCAATGGATTTATCCAGGAGGTGGTCT
CAATCAAATTCAGGAGAATGCACTATTTAGGAGATGTCAGGTTAACCCCTTCTACGCTGTGAAGGATGTT
ATGAAAAAACTCCAAGGCTATGTTGATTACATTAATGCAAACATTGAGAACTTGATACGAGGGTCTCTGTTT
CAAAGTATCTCTTACCAAATGAAGGCATCAGGGGAAGAATTGATATAACTTTCGGTGAGCCGATGTCGGGAG
TTGCATGCGATCTTAATTCTCGTGGCTATAAAGTTTTACACAATGCAACGAAGGAAGTTATAGGGCACGTCAA
ACCTTACTCACTTACAGGGAGTTTGCCGGTTATTCAGGAGCTCCAGGAGGATGGATTTGATGTTCAAACCTGCT
GGCTACGTTTATAAGATACATACCATGCCAGAAAAGAGTATTGCCTTCTTAGTGATATGGGCAATGGGTACA
AGATTTTGGCAGCATCATCTCTCAATTAGAAGAAGATTGATGATACTAGGCTAGACCATTATTGTTCTAAATG
GTACTACTTCAAGAGGTAACCTGCCACACTCACTGTATAGGAAAAATTAAGATTGCCTTCTTTGTTCTACTCTAT
ACTTTCTTTGTTGGATCTGTAATACTAATTTTTTTTTTTCAGTAGAGGCAATAGTAGAGCGAATGTTTGTTAATT
TACATAACAAAATACAGAAACCTAAGTTAAAAAGAACATTGGGTTTCGGTTGAAGAATCAATTCAAACCTGAAT
CGAACATGAACAAGCAGTTTAAACATAATAGATAGTTGAATTGAAGC

>trans_s_12161NM_001072003|Oryza sativa Japonica Group Os10g0573700 (Os10g0573700)
mRNA, complete cds

ATGGGTATTCCAATTCTTCTCAAATTTGAAGAATTGTCTTCTTCTTTGGGCTTCTCTCATCCACATTTGCCTCGT
CTTCATCATGTGAAGCCCAGATTCACTCCCGTTAATCTGGGTTTTTCCCCTTTTAAGATCCCCTTCTCGCCCACC
TTCTTTTTGTGGCTCCAATTTTAAACATGATTCATTTTCTTCTTACTTGCAGTTTCCCCTTACCATCCATAAC
CCATACCAATCACCTCTAACTTTTAGCATTCACTGTCTCCACACTTTTACATTGAATCTGTACGATGGGAG
ACGTGGCGAAGGACCTCACTGCCGGGACTGTCGGAGGAGCAGCACAGTTGATATGTGGACACCCGTTTCGATA
CTATAAAGGTGAAGCTGAAAGCCAGCCTGTTCCACTTCCCGGCCAGCTTCCTAAGTTCTCTGGTGCCATGGAT
GCTGTGAAGCAAACCTCTAGCAGCTGAAGGCCCTCGTGGGCTGTACAAGGGTATGGGAGCTCCACTGGCAACT
GTCGCAGCCTTCAATGCCGTTCTTTTTAGTAAGAGGACAAATGGAAGCATTGTTAAGGTCTCAACCTGGTGT
ACCCCTAACTGTCAATCAGCAGGTGATTTGTGGAGCTGGGGCTGGAGTTGCTGTGTCCTTACTCGCTTGCCCT
ACTGAATTAATCAAGTGCAGATTGCAAGCTCAAAGTGCATTGGCACAATCGGGTTCAGCTGGCTTAACAGTGA
AGTATGGAGGGCCAATGGATGTTGCCCGGCACGTTCTCAAATCAGAAGGCGGTGCAAGGGGTCTCTTCAAGG
GATTGGCTCCTACTCTAGCCCGTGAAGTACCCGGAATGCTGCAATGTTTGGTGTGTATGAGTTGCTAAAGCA
GCGGTTTGCAAGCGGTCCGGACACTTCAAACCTCGGAAGAGGCTCACTGATCGTGGCTGGAGGATTGGCTGG
AGGTACCTTTTGTTCTCCGTCTACCCAACCGATGTTGTCAAGAGTGTACTTCAAGTAGATGATTACAAAACCC
CAAAGTACTCGGGTTCATTGATGCGTTTAGAAAGATCTAGCATCCGAAGGAGTTAAAGGACTATACAAAG
GTTTTGGTCTGCCATGGCCCGGAGTGTAACAGCAAATGCAGCTTGTTTTCTGGCTTACGAGATCACCAGATC

AAGCTTGGGATGATTATGAATTTAATCCCCTCTTGAGTTGTATCTTCCTTCCACTATTTGATTGAACATTAACAT
TCTTCATTTTATTCATAGAAGGCTTTGATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AACCAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAA
TTTTAAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGGCCCTTCCCCCAAGGGGGCCAATTACCCCCC
CCCCGGGGCGCCTTTTAAAACGCCGGGGGGGGGAAAACCCGGGGTTTCCCCATTAAACCCCTTGCCAA
AACCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCGTTCCCCCTCCCAAATTTCCCCCGG
GAAGGGGAAAGGGGACCCCCCGTAACGCCCTTTAAGCCGGGCGGGGGGGG

>trans_s_12162NM_117924|Arabidopsis thaliana phosphatase (AT4G18140) mRNA, complete cds

CAGCATATTGCCCAATGAAGATCGGAAAAGAAAGGCTGTGACTCTTGACTTGATTGGATGAAACATTAGTT
CACTCTACTTTGGAACCGCAGGATGATGCAGACTTCCGCTTACCCTGCTTGAACATGAAAGAGCACATTGT
ATATGTTAAACGGAGGCCATATCTTCAAATATTTCTGGACCGTGTTCAGAGATGTTGAAGTTGCTATCTTTA
CAGCCAGTCAAAGTATTTACGCAGAACAAGTTCTCAACAACTGGACCCGATAATTGTATTATCTCACGACG
ACTTTATCGTGAATCATGCATCTTTTCAGACGGATGTTACACCAAGGATTTGACAGTTTTAGGCATTGATTTAG
CAAAAGTTGTCATTGTAGATAATTATCCACAGGTTTTCCGATTACAAGTGAACAACGGTATTCCTATTAAGAGT
TGGATTGATGATCCCTTGGATTCTGCTTAATTTCTTGCTTCCATTTTGGAGACCCTGGTTGATGTTGATGAC
GTGCGCCCTATTATTGCCAGAGATTCGGTAACAAGGAATAAGAGCCCTTAATATTACTTATTCTGTTGTTCTT
GAGTATGGTGGCTCCTTGTCTCTCTTTTTCACTGCAAAATTAGCTTCTAATCTTTAAATGCTTATCTCTCT
CATCATTGAGCTCAAATTAATACTATTGAATAAACTTGTTTGTCTTTCTTGTGAGTCAGACCTAGGTGCTTGTT
ACTTCTTTTTTTCTTCTCTTGCTGACTAAAGTGTGCTTTGTCCAATTTTTTGGTGAAGTTAGGTCTAGGGAAT
GTCTCTTTAATTTTATTGTACAGTTCATGTGCGTAGTCATATATGAGAAAGAATGTATATGAATTTAATGTTGT
GCAAAATAATTCTTGCAAGGCTATTGCTTCTCTTTTTCTACTTTCTCAGTGTTATCTAATTTTATCTGGTGT
AGAATGCTTCTTTTAATTATCAGATTTAAATCTTGTCCATTTCAATTAATTAGAATTTGGAACCTCAGACTTGG
ATCTTCTCTTCTTCCATCTGATACTACATAAGGTAAGAGTGTCAATTAATTTGAAAATTTTACCACGTCGTTTAT
ACTTGATGTAGAGTCAGTTCTTGAAATAAGACTTCTATTAGTGTTTAAGCTATGTAGAAAACTGAAGCCAACA
AATTCTGAAGTGAGCTGCGTAAAAGGTTAGGATTTGTCATATTTCAAATAGTGGAATTTGGAGCTATGTTGA
ATTGATTTAGAACCTCGAAGAGTATCCAGGATCGAGCCTAATGGTTAGAGCCGTTGGTTTCAATCAAATTGT
CAAAAGTTCAAATTTGAATTCTCATGCATAGTTATTAGCTTTAAGGTTGTCAAATATTTTAAAGCTACGTGGAA
GTTCCATAATAAATTTGATAGGTTAAGGGGTTGGGTGATTATGGAGATTGAGAGGTTGATGTTGATTGG
TGAATGTTGCTACTCAAGAAAAGACAAGAAAACCTATGGCAGAGCAAACCACTGAGCGTATATTAATCTCAATC
AATCGATTGACTGGTGGATTTCTTTTGACACTTTTGGCAGTCATGCTCTTAGGATGTTCTCATATGTCATTTT
CAATTGATTGAGAATTGAGATTAATGTTAAGAGGTTTCATGCTATGAAGTATGTTCAATCTTAATATCTTTACCT
AATAGTTACCTGGAGCAAATAACCGTTG

>trans_s_12163NM_001058719|Oryza sativa Japonica Group Os04g0182900 (Os04g0182900)
mRNA, complete cds

CCGGCCGAACGCCCCAACGGCCACCTCCCAAAATGAACATTGTCTTCTTCTCTCTGCTGTCTTACTC
TTCACGGGCTCGCAACTCCTCCTACTTCTCATTGACGAAGCCACCATCGTCGAAATTCAAAACGCCTTCTCC
CAAAACAACTCACCTCCACACAACTCCTCGACTATTACCTCAACAAAATACACCTACTAAATCCAGTCCTCAAA
AGCGTTCTCGAACTAAACCCAGACGCAAGAGCTCAAGCGGAAGCCGCAATCGAGAGAGGCTCCTCGCCTGT
GGAAAATCCCTTGGCGAACTCCATGGAATCCAATTCTACTAAAGGACGCCATTGCGACTAAGGATCTTCTCA
ATACAACCGCCGGATCCTTCGCGTTGTTGGGTTCGGTGGTGCCTCGAGATGCGACGGTGGTTAGTCGCCTGA
GGAACGCCGGTGCAGTGATTTGGGGAAAACCTTCGCTTACAGAATGGTTTAAATCCCGTTCTTCTAAGATTCCC

AATGGATGGTGTGCTCGTGGCGGTCAAGCGGTGAACCCATATGGAAAAGGAGGGGATCCATGTGGGTCAAG
CAGTGGGTGCGCGATATCGGTGGCGGCGAATATGGTGGCGGTGTCATTAGGGACGGAGACTGATGGGTGCA
TTCTGTGTCCGGCTGATTACAACCTCGGTGGTTGGGATTAAGCCTACTGTCGGTCTCACGAGCCGGGCCGCGT
TATCCCATCTCTCCTCGCCAAGACACAATTGGGCCCATATGTAGAACAGTTTCAGATGCTGTTTATGTGCTTG
AAGCTATTGTTGGATTGATCCAATGGACTATGAGGTAACCAAGGAAGCTTCTCAATTCATACCTTCAGGTGGT
TACAAACAGTTTCTAAGGAAAGATGGGCTTAAAGGAAAGAGATTGGGCATTGTTAGGCATCCCTTTTCTGACT
TGTATTCCAACAACCTCCATGGCCATTCCAACCTTTGAGCAACATCTCAATCTGCTAAGGAAGATGGGAGCAACC
ATTGTAGACAACCTTCAAATATCAAATGTAGACGTCATTTTGAATCCGTATGAAAGTGGTGAATTCATTGCAAT
AATAGCTGAGTTCAGCTGGCCGTAAATGATTACCTCAAGAACTCATCCAAAGTCCAGTTAGATCTTTGGCT
GACATTATCTCCTTCAACAACAAGCACCTGAACTAGAGAACATGAAAGAGTATGGCCAAGATGCCTTTCTTTT
ATCTGAACAAACAAATGGTATTGGAGAGATGGAGAAGGAGGCAATTAGTAGGATGATGAACTTATCGCGAA
ATGGGTTCGAGGAATTAATGAAAGGCAACAATTTGGATGCAATGGTGACAATAGGGACAGGAATTGAAAGT
GTGCTAGCAATTGGGGGATACCCAGGAATAAGTGTCCCTGCTGGATATGAAGAAAATGGAGAGCCATTTGGT
ATTCTATTTGGAGGTCTTAAGGGGAGTGAACCAAAGCTAATTGAGATTGCTTATGCATATGAACAAGCCACCA
TGGTGAGAGAGCCACCTCTTCTTCTCGAATTTCAAGTTTGTGAAAGTCTTGTATCAAGTTTGCAAATTAGAA
GAACTTTTTTTTTACAGAAAGTAAAAACAAATATTTACAATCTCTCTCTCCTCTAAATTGCAAATGATAGA
TGATCCATTTCTTCTTATTATTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12164NM_001061953 | Oryza sativa Japonica Group Os05g0386000 (Os05g0386000)
mRNA, complete cds

TTAACGAAGACTGTCCGCACGGTACGCACAAGACTCGATTTTTTTTTCCAGATCTCTCTGTTTGTCTCGATTCC
AACACGACACCCATTTCTTCTTCCCGACTCCCTCATGTTCTTCAAGTGAATGAACTTCTGTGGCAATCGAACT
CTTCTTCTCAAGTTGAATACTGTAAAAGAGGTCCGTTGTGTTGCTCCTGTTGCTTGTATTTGAAAGAAACAGAA
AAGTTTCATGGATTTTTTTGTGGTTTCCCATGTTACTGTAGTTCAGGAACTCATCTATAATGAATTCTGAAAGT
CCTTGATTTGGATCTCAAAAATAGCTACTATGATTGGGAGGAAGAACACTGGACAGGCTTCCCCACTATTTCTG
GTCCTCCTGGCTCTTACCTTCTGCTTTGTAACCTATAATTTGGTGACGGCTATTATTCAGTATGGATCTGTGGGA
AGGGAAGTTGGACATGACTCATATAATCATTTATCTACTGATCCCATCATTGAAATGCCGGAGAAGGTGAAAA
GAAAGAAGACAAAGTCACCTTTCATGTTGCTTTGACTGCGACTGACGCTCCTTACAGCAAATGGCAGTGTGCG
AATTATGTATTACTGGTACAAGAAGATAAAAAATTTGCCTCAATCTGAGATGGGAGGGTTCACTCGTATTTTAC
ATTCGGGAAAACCAGATAACTTAATGGATGAGATTCTACTATGGTGGTGGATCCTCTTCTGCTGGTATGGA
CCGGGGCTACATCGTCTTGAACAGACCGTGGGCATTTGTGCAGTGGCTGGAAAAGGCAACAATAGAGGAAG
AATATATACTAATGGCAGAACCAGATCATATATTTGTTAATCCGCTTCCTAATTTATCTGATGGAGGTTATCCA
GCTGCCTTTCCATTTTCTACATCAAACCAGATCAAATCAAAAAATTCTGAGAAAGTTTTTCCCGAGGAATAT
GGCCCCGTAAATAATATTGATCCAATTGGCAACTCCCCTGTAATTATTAGGAAGGATTTGATTGAAAAAATTGC
TCCTACCTGGATGAATATTTTATTGAAGATGAAAGAGGATCCAGAGGCAGATAAAGTTTTTGGATGGGTGCTA
GAAATGTATGCTTATGCAGTTGCTTCTGCTTTGCACGGTGTGCAACATGTTCTTCGGAAAGATTTTATGTTGCA
GCCACCATGGGACTTGGCCATTGGTAGAAAGTTCATTATACATTATACTTATGGATGTGACTACAACTTAAAG
GGGGAATTGACATATGGTAAAATTGGTGAGTGGCGATTTGACAAGAGGTCACATTTACGTGGACCTCCCCCG
AAAAACATACCTTTACCCCTCCGGGAGTTCCTGAAAGCGTGGTAACCTTGGTGAAGATGGTGAATGAAGCAA
CTGCAAATCTTCAAATTGGGAGGCAACATAGTTAGTTTATAGAATAAATGATGTCATATTTGATGTGTTTGAA
AAGTCCTGTTCTCTATTAATATCACACCTCACAAATTTAGTATACACAAACCCTAGCTTGGTTTTGAACCTCTCT
CTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTAAATTTAATTTTGGGACTTTAGAGAGGGGGAACAGTAAAAA
GAAAAGGCTTTGGGAGTAATTTTAGAGTTGCTTGAGCGTGATTTTGTATACAAACAAATTTGAATCAGTTTC
TTAATTTCTCTTATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12165NM_115862|Arabidopsis thaliana MAP2B (METHIONINE AMINOPEPTIDASE 2B); aminopeptidase/ metalloexopeptidase (MAP2B) mRNA, complete cds

TAGGGCGGACTATTACAACTCTTGCTCATAGGGTTGGTTTTTCCTTCAACAACCTCCCTCTTCTTCTTTTCAGATAAACAAGAATAAATCCCAATCGCCGCGCCGAACGTTCTTCCAACATATGGCTGACGAAAATCACATTGAAGTTCCTGTTCTGATGATGGGGCTCCTGAAACCAAGTAATGGGCATGAACAGGATTCTGTGAACTTGCTCCGACGTCACAAAAGGGTGAAGATGATGTTAAAGAAGGGACAAAGAAAAAGAAGAAGAAAAATAAAGCAAGAAAAAGAAAGAGGCCCTAAACAGACAGATCCACCAACTATTCCCATCATTGATCTTTCCCATCTGGGGATTTTCAGAGGGCGAAATTCACAGTACAAGGATGATAACCTGTGGAGGACTACATCTGAAGAGAAGAGGGAGTTGGAGCGCCTTGAAAAGCCAATCTACAATTCCATTGACGAGCTGCTGAAGTTCATCGTCAAGTAAGAAAAATACATAAGAAGCATAGTGAAGCCAGGGATGTTAATGACTGACCTTTGTGAGACATTAGAAAACACAGTTAGAAAGCTAATATTGGAGAATGGGTTGCAAGCTGGCATAGCATTTCGACTGGATGTTCTTTGAACTGGGTTGCTGCTCATTGACCCCTAACACTGGAGATACGACTGTGCTTCAGTATGATGATGTAATGAAATTGGATTTTGAACACATATTGATGGATGCATAGTTGATTGTGCATTTACAGTTGCATTCAATCCTATGTTTGATCCACTACTCGAAGCCTCACGTGAAGCAACTAACACTGGCATTAAAGGAGTCTGGAATCGACGTAAGGCTTTGTGATGTTGGTGCTGCAATTCAGGAGGTCATGGAGTCATATGAGGTTGAAATTAATGGAAAGGTGTATCAAGTCAAAAGCATTGGAATTTGAACGGACATAGCATTGGTCGTTACCAGATCCATGCTGGTAAATCTGTTCTATTGTGAAAGGAGGGGAGCAAACCAAATGGAAGAGGGTGAATTCTTTGCAATTGAAACCTTTGGATCTACTGGGAAAGGATATGTTAGAGAAGATCTTGAATGTAGTCATTACATGAAGAACTTTGACGTGGGCCATGTTCCACTAAGGTTGCCAAGAGCCAAGCAATTGTTGGCAACCATTAAATAATAACTTTCAACGTTGGCATTCTGTGACGGTACTTGATCGCCTTGGGGAGACTAAGTATCTTATGGCATTAAAGAATTTGTGTGATACTGGCATTGTTCAAGGCCTATCCTCCATTATGTGATTCAAAGGGCAGCTATGTGTCTCAGTTTGAGCATACCATTTTACTGAGGCCAACCTGCAAAGAAGTGATTTCAGAGGTGAAGACTATTGATAATGTAGCGCAAAAAGTAGTCCTCATTTGAAGCCTCTTATATTTCACTATGGCTTCTAATGCTTTGTAATATGTTTTAATTGGAGTCTTCTCTATACATTTTGAAGGCTAACATCTCTATACATAGGCATTTATAAATTCGATTACATACTAATATGTTAATGCTTATTTAGTGTCTGCTTTTTGAGTGTATGAGAGTTACATGACTATCTTAAGATTTTATGTTGCATCTTTTTGTATGAACAATATTTATATTTTTGGTAAGTTAAAAAGACCATCAAATATGCTTATAAAAAAGAAATAATTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12166NM_112204|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7D) (AT3G13580)
mRNA, complete cds

[illegible]

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAACC
CCCCAAAAAATAAAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGCCCCGAAACCAAATCCCCCAAAAAGGAACCA
AAAAACCCCCCCCCCTGGCCCCCTTTTTAAAACCCCCGAACGGGAAAAACCCCGGGTTCCCCAATTAAAC
CCTTGAAAAAAACCCCCCTTCCCCCCTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCCTTCCCCCTTCCAAAAAT
TCCCCACCCTAAATGGAAAAAGGAACCCCCCTTAAACCCCCCATAAACCCCCCGGGGGGGGGTTTACCCC
CAACGGGACCCCAAAATTTCCCCCCCCAAACCCCCCCCCCTTCTTTTTTCCCTTCTTTTTCCCCCCTTCC
CCGGTTTTCCCCCAAAATTTAAAAACGGGGCCCCCTTTAGGTTTCCAATTTAGGGTTTACCGCCCCCCCCC
CCAAAAATTTAATAAGGGGAATGTTTCACGAATGGGCCCATCCCCCTAAAAACGGTTTTCCCCCTTTAAAT
TTGAAACCCACGTTTTTAAAAAAGGAACCTTTCCCAACAAAAAAACCCC

>trans_s_12167AY360221|Ricinus communis actin (ACT) mRNA, complete cds

TGGCCGATGCCGAGGACATCCAGCCCCTCGTCTGTGACAATGGAAGTGAATGGTGAAGGCTGGTTTTGCTG
GTGATGATGCTCTAGGGCTGTTTTCCCCAGTATTGTTGGTCGTCGCCGACATACTGGTGTCTATGGTTGGGATG
GGCCAAAAAGATGCCTATGTTGGGGATGAAGCTCAGTCCAAAAGAGGTATTCTTACCTTGAAATATCCCATTG
AACATGGTATTGTCAGTAACTGGGATGACATGGAAAAGATTGGCATCACACGTTCTACAATGAGCTTCGTGT
TGCTCCCGAAGAACACCCCTGTGCTTCTGACTGAGGCGCCACTCAACCCAAAGGCTAACAGAGAAAAGATGACT
CAAATCATGTTTGAGACATTCAATGTGCCTGCTATGTATGTTGCCATCCAGGCCGTTCTGTCCCTCTATGCTAGT
GGACGTACCACTGGTATTGTGCTGGATTCTGGTGATGGTGTGAGTCACACTGTTCCCATCTATGAGGGTTATG
CCCTTCTCATGCCATTCTCCGTTTGACCTTGCTGGTCGTGACCTTACTGATGCTCTCATGAAGATTCTCACTG
AAAGAGGTTACATGTTACCACTGCGCAACGGGAAATTGTCCGTGACATGAAAGAGAAGCTGGCATATG
TTGCTCTTGACTACGAACAAGAACTTGAGACTGCAAAGAGCAGTTCCTCTATTGAGAAGAACTACGAACCTCC
TGATGGACAAGTCATCACCATCGGAGCTGAGAGATTCCGTTGCCAGAAGTTCTATTCCAGCCATCTCTCATTG
GTATGGAAGCTGCAGGAATCCACGAACTACTTACAACCTCCATCATGAAGTGTGACGTAGATATCAGAAAGG
ACCTTTACGGAAACATCGTCCTCAGTGGTGGTTCAACCATGTTCCCTGGTATTGCAGACAGGATGAGCAAGGA
AATCACAGCCCTTGCTCCCAGCAGCATGAAGATTAAGGTTGTTGCACCACCTGAAAGGAAATACAGTGTTTGG
ATTGGAGGGTCTATTCTTGCATCTCTAAGTACCTCCAGCAGATGTGGATCTCAAAGGGTGAATATGACGAAT
CTGGCCCATCGATCGTCCACAGGAAGTGCTTCTAAGCTCTATCAATTTCTTGATGATGAAGAAGATGATGATG
ATGGTGAGTTATTTCCCTTAGTTGGCTTTTTGTGTCATGTAATGTTGAACTGAGATTGGTTGGCGTCAAAGA
AGAAAAAAGGGGGTCTGTTCTATTGAATTGAAGGGATTGTGTTACATTTTGTGATCTCAAATGGCATTG
ATTCTCCAATCATACGGGTGTTGGTGGCCTGTTGGAAGCTTACAAATAGCTGTGGTGTGACCTTCAGATTG
GGCAAAAAAGGATTCTGTTCTATTCTGTTCTGTCATCTCTGTGGTTCAACCATTTCTTTTTATTTAGGGATATT
GTAGCAGAAGAGTGATTGGTGATGCTTTTCTAAATATATATTTTTCTTCTTTCAATTTCTTTCTTTTTGAA
GGTTTTTCTTTCTTTCTTTCTCTGAGAACATTAATGTTAATATTTATTTGTATGCGAAATATTAGCGTCAGTT
TTCAGTCATAAAGTGGTATGGAATTTTAAATCTTAAATCTCTGTGGCTTTTTGAGCTTTTCAGAGAAGTCTC
TCTTACAAAAA

>trans_s_12168DQ812086|Cucumis sativus NO3-stress-induced mitogen activated protein kinase
mRNA, complete cds

ACAATTTCTTCTCTGCATAAATATTCATCCAAGTTCTTAAATCTTCTTCAAACCTTTGGTCTTGGTCTTCATCTC
ATTCTGGGGTTTCATTTTCTTGACTCATAATCGGAGAATTTGATTGAGAAGGCGTTTCTGAGCAAAGGGTTTCG
AGGAATATGGCTGATGTTGGTCAGAACACCCCGCTGATTTCCAGCTCTTCAACCCACGGTGGCCAATACG
TTCAGTATAACATTTTGGGAATCCCTTCGAAATCACCTCCAAATATCGTCCTCCGATTATGCCTATTGGTCGCG
GCGCATACGGAATCGTTTGTCTGTTTGAATTCGGAGACCAATGAAATGGTTGCGGTTAAGAAGATTGCTAA
CGCGTTTGATAACCATATGGATGCGAAGAGGACGCTCCGTGAGATTAAGCTTCTACGCCATTTGGATCATGAA

AATGTAATAGGCATAAGAGATGTGATTCCTCCACCTTTACGGAGAGAATTCAATGATGTCTACATTTGACTGA
ACTAATGGATACTGATCTTCACCAAATAATCCGCTCCAATCAAAGTTTATCAGAAGAGCATTGTCAGTATTTCC
TTTATCAGATTCTCAGAGGACTGAAATACATACATTCGGCAAATGTCATTCATCGAGACTTGAAACCGAGCAAT
CTATTGCTTAATGCAAACCTGTGATCTTAAAATATGCGACTTTGGTCTTGCTCGACCAACTTCAGAAAATGAATG
TATGACGGAATATGTTGTGACAAGATGGTACAGAGCACCTGAGCTTCTTTTGAAGTCTGATTATACAGCTGCTA
TCGATATATGGTCTGTTGGTTGCATCTTTCTGGAGCTTATGAATAGAAGGCCTTTATTTCCAGGCAGGGATCAT
GTGCATCAGATGCGATTATTGACCGAGCTTCTTGGCACACCAACCGAGTCAGATCTTGGTTTTATCCGAAATGA
AGACTCGAAAAGATATCTTCGGCAGCTACCTCCACATCTCGTCAGCCATTAGCAACGGTTTTTCCACATGTTT
ATCCGTTAGCAATTGATCTTGTGGATAAAATGTTGACATTTGACCCAACAAGAGAATTACTGTTGAAGAAGC
ATTAGCACATCCATACCTAGAAAAGATTGCATGACACAGCCGATGAGCCGGTTTGCTCAGAGCCATTCTCGTTT
GAGTTTGAGCAACAATACTTAGACGAAGAACAGATGAAGGAGATGATTTACAGAGAGGCATTGGCACTCAAT
CCAGAATTTGCATGACCATAAAAGCATTCTGTCTCGATCACACGTCTTCCCGAGTAATGACGACTTTGCATATA
CAAGATAACATACAATGAAGATAACGGCTCAGATTGGTGTACAAAGTGAAATCAAATCAGATAAGAGCTTTGT
ATGTTGAATTGGCTAACTTATCTGTTTCATTCATCTATCAGCTCTTATTAAGAATACCTTAAATTGTTAGTTTATT
TTTTTGCCACGTTTGATCCTTAAAGTTTATGTTTTTTTTCTTTTTTCTTTTTTGTATTTTCTTGTATCTTTCT
GTATTTGTTTGATTTGAAAATAATGTTGAATCTATATCTTGTACAGGAAACAATATTAATGCAAACCTCATTTTA
ATAAACTTCTATTTACGTGTTGTTGTATGTCTCCATCTTTGAATTTGAGCTGTTTTGTGATATTTTTTGCGGA
TGCCCCCGCAGGCGAAGCACA

>trans_s_12169AB004247|Citrus unshiu mRNA for H⁺-ATPase catalytic subunit, complete cds

CAGCGCCCCGGTCAATATTCATTGAAGGATACTGTTCTAGAGCTCGAGTTTCAAGGAGTTAAAAAGCAATTTAC
CATGCTTCAGACTTGGCCTGTGCGTACTCCTAGACCAGTTGCATCGAAGCTTGCAGCCGATACCCCTCTTTTGA
CTGGACAGCGGCTTCTTGATGCACTCTCCCTTCTGTTCTTGGTGGAAACATGTGCCATTCTGGAGCGTTTGGT
TGTGGAAAAACAGTCATTAGTCAAGCTCTCTCAAATATTCCAATTCTGATACAGTGGTATATGTTGGTTGTGG
AGAGAGAGGAAATGAAATGGCTGAAGTTCTTATGGATTTTCTCAATTGACAATGACATTGCCTGATGGTCGT
GAAGAATCTGTCATGAAGCGTACCACTCTTGTAGCTAACACTTCTAATATGCCTGTGGCTGCTCGTGAAGCTT
GATTTATACTGGAATTACTTTGGCCGAGTACTTCAGAGATATGGGATACAATGTAAGTATGATGGCAGATTCA
ACATCTCGATGGGCAGAAGCACTACGTGAAATATCTGGACGATTGGCAGAAATGCCAGCAGATAGTGGATAT
CCTGCTTACCTAGCAGCACGTTTAGCCTCTTTCTATGAGCGTGCCGGTAAAGTGAAATGTCTCGGTGGGCCAG
AACGAACTGGCAGTGTACCAATTGTCGGTGCAGTTTCTCCACCTGGAGGAGATTTCTCTGATCCAGTTACATCT
GCTACCCTCAGTATTGTCCAGGTTTTCTGGGGTCTAGATAAGAAGCTTGCCAGAGGAAGCACTTCCCTTCCGT
GAACTGGCTAATTTCACTACTCAAATACTCCTCTGCGTTGGAGTCTTTCTACGAGAAGTTTGATCCAGATTTTAT
TAGCATCAGGACGAAGGCTCGTGAAGTCCTTCAGAGGGAAGATGACCTCAATGAAATTGTCCAATTGTAGG
GAAAGATGCCTTAGCCGAAGGAGATAAGATCACCTTAGAGACTGCAAAGCTTTTGAGGGAGGATTATCTTGC
TCAGAATGCATTTACTCCGTGCGANTAATTCTGCCATTCTACAAGTCGGTCTGGATGATGCGTAATATCATTC
ATTTCTACAATTTGGCTAATCAGGCAGTAGAGAGGGGAGCGGGTATGGATGGCCAAAAGATAACATACAGTT
TGATTAAGCATCGGTTGGGAGATCTATTCTATCGCCTCGTGTCTCAGAAGTCCGAGGATCCAGCTGAAGGAGA
ACCAGCTCTCATCGAAAAATTCAAGAAGCTACATGAAGATCTGACAAACGGTTTTCCGTGCTCTCGAGGATGAA
ACTCGATAGACAACAAGAATTTGTTTGCCGACTTCTGTCCAGGTCTGGTGTTCCTCCTTTGATTTTGTAGAAT
AATATCGATGTATTATGTTGGTTTGGTTGCGGTCGCAACTTTCGGTTAGCTATTATTTAATAATGTGCATTATT
TTTCTCCACCCCTCCAAGTTTTTCCGGGTTCTGATTTTGGCGTTCAGAACTGAGATTCTTATACTATTCCCTTAT
TTATCTTATAATATCTGTGCAATAAAATGGATCCGAGTTTGTATTTTGGCGGTTGTTTTTTCTTCTGGGACATA
AATGGATGTAATAACATTTGGGAAAATGAATGTCCATTCTCCTTAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12170XM_002871868|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATSUG1, mRNA

AAAGCGCAAGAAACCAGGCACACCCACCTCCATTTTACAACATTCATCTTCTTCGCTCGACAAAGTCTCATTTTC
CAGTTTGGTTATCTTTTGTCAAATCTAGATCGTCCAGTTAAAGGAGTTCGATTTTCTAGGTCTTCCAATGGC
GACAATGGAGGTTCGAGACCCAGAAAGTGGCGTCGGCGTCGTTAGATGCTTGCTCGGCGAAACAGGCGACGA
AACAAGGTGAGGGTCTGAGGCAGTACTATCTCCAACATATTCACGAGCTCCAGCTCCAGGTCCGTCAAAAGAC
CCATAATCTAAATCGTCTTGAAGCTCAGCGTAACGAGCTGAATTCGAAAGTACGCATGCTTCGGGAAGAGCTC
CAGCTACTTCAAGAGCCAGGATCTTATGTTGGTGAAGTTGTTAAAGTCATGGGAAAGAACAAAGTTTTAGTTA
AGGTTTCATCCAGAAGGGAAATATGTTGTTGATATTGACAAAAGTATCGATATCACAAAATCACACCCTCAAC
CCGAGTGGCTCTCCGTAATGACAGCTACGTTCTTCATTTAGTCTTGCCAAGCAAAGTGGATCCACTTGTTAATC
TTATGAAAGTTGAAAAGGTTCTGATTCAACTTATGATATGATTGGTGGTCTAGACCAACAAATAAAAGAAAT
AAAAGAGGTTATTGAACCTCCCATTAAGCATCTGAACTTTTTGAGAGTCTTGGAATAGCTCAACCAAAGGGT
GTCTTGCTGTATGGGCCACCTGGTACAGGGAAAACACTGTTGGCTAGAGCAGTGGCTCACCATAAGATTGTA
CTTTCATCAAGGTTTCTGGGTCTGAGTTGGTCCAGAAATATATTGGAGAAGGTTCTAGAATGGTCAGAGAGCT
TTTCGTATGGCTAGGGAGCATGCACCTTCTATTATTTTCATGGATGAAATCGATAGTATTGGGTCTGCTAGAA
TGGAATCTGGGAGTGGTAATGGTGATAGTGAGGTGCAGCGTACTATGTTGGAACCTCTTAACCAGCTTGATG
GATTTGAAGCATCAAATAAGATCAAGGTCTTGATGGCCACCAATAGGATTGATATTCTGGATCAAGCTCTCCT
AAGGCCAGGACGAATTGACAGGAAGATTGAATTTCAAATCCTAACGAGGATTCCCGTTTGATATCTTGAAA
ATACATTCTCGTAAATGAATTTGATGCGTGGGATTGATCTGAAGAAAATTGCTGAGAAGATGAATGGTGCAT
CTGGTGCAGAACTCAAGGCCGTATGTACAGAAGCGGGGATGTTTGCTTTGAGGGAAAGAAGGGTTCACGTG
ACTCAGGAAGATTTTGAGATGGCTGTTGCCAAGGTGATGAAGAAGGAATCAGAGAAGAACATGTCGTTACGA
AAGCTATGGAAGTAGAACTATCATAAGAAGCAGCCAAGGCGTGGCAAATTCTGAATAGTGCTTACCTTTTTAT
TCTTGAATTCTTCACCTCACCTGGCTGTGCCTAGAGATTTGTGCAACTTGTTTATGTACCTTGAATGATGTTTT
ATAGTCGTTCACTCATTTATTTTACCTGGATCTTGTAACCTTAAATCCCTCTCATTGCCACATTTCTTGACCAT
CTCCTTTTCCAGATGTATTGACAAGTTGATGGAAGCTGGTAAGAATTAAAGAATTACCCAATTGAAAATGATTT
ACTTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12171AL161533|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 33

AAGCTTTTTCATTTTCATTTCTCCATTCTCATCTCTACCAATTTTGATTTTTCTTCTTCTTAAGATGCCCATGGA
CCGAATTCAGCCAACCTCCGAATCCCCAAGCACCAGGCTCATGGTTCTCTCCATCGAATGTATCAAAGGAAGCT
CACGCGCCGACGAGTGGACCGGCGACATGCTTCAGACCGGCGACATAGTCGAGGAGCTAACCATCGGTTTCAT
CTCTCTGTGTTAGATCCCCTTCAAGCACGGCCGCTCCGGAATCAAAAAATTCTACACAATTCCTTCAAGGAC
AAACAGACTTCCATCCTGGTTCGTGTCCGCCGTGGCCGAGACGACTTCTCCGAGCTGCAGGCCTGTATTGTCC
CCAACGATTCCGCCGAAAAAAGCAGTACGTTCTCCGTTCCATCACTGACCCGAATTACGTTGTCGGGTTCATG
GATCGCACCGAGTCAGAATGCTTCGACCTTCAAGCATCTAGGAGTGACAGAATGGTAAATGCATTAGAAAAGA
ACAAGGCTTCAAGATGGATATGTAACATACTCATGGGAAAGAAGAATGCATGAATCGCTATCTGTTCCATATT
CAAGCTCTTTTCTTCCATTCTTCTTCTTCCAAAAGCTGCTAATGAAGTTGCCACTCACTACAATGATTGGAAG
ACACCTTGCAAGAGCCAATGCTTGGCTCAATTCACCTCAGGCCACTGGTGTCCCCATTGTCTTTATGAATATC
CAAAGTGAAGTCTCTCTTAACAAAGATATCTGGAGATACAGCTTCTTCTACTGTCAATGCTGGGTCTTGTCTGA
TTTGTCCAATCTCGCCAATGCCAGTCTCTATGGGTTTGAAGATTACCATGGGGTTGATATTGGTGTGCTTCGAT
CTGTTCTGCTATGGTATGCTCCACTCGGAGGAGAGCTTCTATTGAGATCAAGCTTAAAGAAGGTGATTCTAA
ACTGGGGTTTTTCATTGGTTCGCACGGAAGAGGGATTTATCTATGTTTCAGCGGTGGATGAAGATGACAATGC
GCCATCTTCAAAGTCAGGACTGAACCATCTATAACAAGGAAGCTGAAAATGCATCCAAGCTGTTAATAATCTCT
AGAGTTTCAATCAAAGGTTCTCCCATGGATTGTATCTCAACCGGAGCAATTCGATGCTTCGACACGGTTTC
ACTTAGCCAGAAGCTGTCGTTGCATAGGCACGCCAAGGTCCAATCTTCTTACACGTCTTCTCTGGGACAGAG

AATTGTTAGCTTCTCTAATCAGCGCTGCCCCAATTAGGCAAAGATCGACATCTTCGCAACCAGTTGCTCCAGCA
CGACTGGCTTTGCCTCCAGAATTTCAATTACCTCGCCAACCAAATGATAATCAAATACAGCCATTGCCGGCCGA
TGCAATTCAGTGAGAGTGGAAGCGTGAGTACAGATGAGTCGTCAATCAGAACAGAACGAGAAACCGCTG
GTGAACTTTCCTTCAGATTTACGAATTTTCCCTATCAAGCAACTGAATGATATTTGGGTTGCTCTACTTATTGT
TACATATCTGATTAGAGAAATTAAATGTTCTAAAATTTACTATATAAAAAACAAGTTCTTAGGTATTGTTGAGT
ATAGAATCGTTCGTTCTGTATCTTCTAGCGCTTGTGTATCCATACAGAAAATTATAAAAAAAGATTGCGTAGA
CTTTAATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12172NM_001036175|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-
related (AT1G68410) mRNA, complete cds

AGAGATTGGAGAAACCGACTGTAAGATATGGGAATGCAGCGCAGTCTAGAAAAGGGGAAGACTACTTTCTCA
TGAAAAGTATTGTCAGCGAGTTCCTGGGAACCTTCATCCACTTTCTCTATATTTGCTATATTTGATGGACACA
ATGGAAATGCTGCAGCAATTTTACGAGGGGAACATTTGTTGAGTCATGTCTTGGGTGCTCTTCCCCGTGGTCT
GGGGCAGGAGGAGTGGCTTCAAGCTCTACCAGAGCTTTGGTTGCTGGATTTGTGAAGACCGACAAGGAGTT
TCAGAGCAGAGGTGAACTTCTGGAACCTACAGCGACATTTGTGATCATCGATGGATGGACGGTAACAGTAGC
GTCAGTTGGCGATTCTCGATGTATTTAGATACTCAAGGGGGTGCCGTCTCTGCTTTAACGGTTGATCATCGAC
TTGAAGAGAATGTTGAAGAGAGAGAACGTGTGACTGCAAGCGGTGGGGAAATTGGAAGATTAAGTATTGTT
GGCGGTGCTGAGATCGGCCCACTCCGTTGTTGGCCAGGAGGCTTATGCCTTTCTCGATCCATTGGAGACATGG
ATGTTGGAGAATTTATAGTTCCAATTCCATTTGTGAAACAAGTAAAGTTACCAAATGCAGGTGGGAGGCTTAT
AATTGCTTCTGACGGCATCTGGGATGCCTTATCATCAGATATGGCTGCAAAGTCCTGCCGTGGACTACCGGCA
GAGCTTGCTGCTAGGCAAGTTGTGAAGGAAGCCTTGAGAACAAGAGGCTTGAAAGATGATACAACCTGCATA
GTTGTAGACATCATTCCTCTGATAATTCAGCACAGTCTTCCCCTCTTCAAAGAAACAAAGCGTACTGAAATC
TCTATTATTCAGGAAAAAATCTCCAGTTCTAATAAGTTATCGAAGAGGCTTTCGGCTATAGGTTTCGTGGAAG
AACTATTCGAAGATGGCTCCGCTATGCTGGCTGAAAGGCTTGAACTGTAGAGTTGAGTGGATCTGGACATG
GGACACCAAACATGTTCACTTGTGTTGTATGTCAAGTAGATCTTGCTCCAGTGAGGGCATCTCTGTTTCATGCT
GGTTCATCTTCTCCACAGCTCAAAGCCATGGCAAGGGCCTTTCCTTTGTGCCGATTGTGAAACAAGAAGG
ATGCCATGGAAGGAAAACGTCCCAGCAGGGTAAGAGTGGCCTAGATCACTTCCATTATTATTAACCTCTTGA
TTCTTTCTCTTCTTGAATCTCTACTTCGACGGGGCGAGCAAGCAGCTGCTTGTTACAGATGATGATAGTACAA
TAACATACTTTGCAAAAGTGGTGTAAGATTGAAAGTTAGGAATTGAAAGAAGGATGTGTTAAGGAGTAGTGA
TTACTACACAGTAAGAGAAGAGTTGAAGTTAGTAGGAGGGGCAAAAGTAAATAGCTAATTATTTAAGTTAAG
CTAATGTTTAAATGAAATGAGACTTGACTAATCCACAAATTGAAATTTGTGCCTGTATATTAGAAAGATCTCT
CTCTCTTTTCTACTTTTCATCATTATTATTTGTTTTTGAATCTAAGTTTATAAATCTTGCCTTCTGCTTCAATCAG
AGGATGTAGTGAGATGAGACACACTGTTCCATTCTATTCTGGTATTGAATGATGTAAGTTTATTTATTTATTTA
AATAGTTATTTTCATTTCAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAT

>trans_s_12173NM_001054525|Oryza sativa Japonica Group Os02g0726400 (Os02g0726400)
mRNA, complete cds

TCCTTGTCATTGATGATACCTCTCTTGGCACAAAGCATCCCGATTGTCTTTAAGTCGTGAACCTTTGTTATTGT
CTTTAAATTATAAAGTCAATTTTAGTATTTGATCACATTCCTCAAACATGTTGCAAAGCCTAATAAATAATCTT
ATTAACCGAAAAACCAAAACAATATTTTAAACGGAAAAAACCAAAAGCTTGGCCACGTAATCAAAGATGAA
CACGTGGAGCATTGTCAAACCGGAGAGCAGCCTGAAATCGTGTGCCTTCCCTACCGGATTTTCTCTTTCCTC
TATTCTCTCATCCCGTCGACGACGACGACGAGAAGAAGCCGTTTCGTTGATTCAACGTTCAAGTTGCGGTCAG
CCATGGATTTCTGGAACAAAGCTCGAAGTTTCGCCGAGGAAGCTGCGAAGCGCTCGCAGGAGCTAACTCTTG
AAGCTGCAAGGCGTTCCAAGAGCTCACCATCGGATCCTCTAGATTGTCCGACATCGTTTCTGAACTGCTAA

CGCTCCAAGGAATTCGCTACCGAGGCCTCCAAACGAGCTGATCAAATCAAAGCGGAAGCTGTTAAGCGAGCC
GATCTCATCAAGCACTTGGTCGAGAGGACTCCGCCGTCCGGCGTCTTGAGAAGAAGGCTTCAGATGAAGAG
ACGCGGGAAGAGGATTTGCAGAGGTTTGGTATAAACGAAGAGCTGAGAGACTTCGTTAAAGGCATCACTATG
AGTACATTTTCGGGATTTTCCACTCGAAGATGATTAGAAATGTCCAATGTCCCCACAGTCTCAAATATCAGTCA
GGATTTAACTGAGTGGCAGGCGAAGCATGCAAGTCTTGTTCTTCAACTGTCAAGGAAATTTCTAAGTTACGTT
ATGAATTATGTCCACGCATTATGAAGGAGAGAAAAATTCTGGAGGATTTACTTTTTACTGGTGAACAGGCATAT
TGCACCCTATGAGAAAAAGTACGTGGAGGGCGTCGTGCTGAAATCAGATAAACCAGTTGAAGATGGAATGAT
GGAACCTGTAAAGCTGAAATAACATCTACATCTCAGGAGAAGAAAAGTCTCAACCTCCTCATCAAGTGAC
CAAGACTTGGATGTATTTCTTCTTGGAGATCTTGGAGACAGTGATGAAGGTCCAGATGATGGAGATGATGAC
GGCTTCGATGATGATTTTGACAAAATGGTTGACACTTCGGATGACGAGGAAGACAAATTGTAGGAGACAGGT
GCAGGAGTGTTCACATCGAATAGTTGTTTTCTCATCCTTTGAACTCGTCTTTTCCCATCCTTGGTGTGGTG
GCAGGGTTCGGTTCGGTGGGCTACTAAATGATGATCCAATTAACCCATTTGAAGTTCTATCACTTCACTTGA
CCCAGCTTTAGTGCTTATGCATTTAACTTGTGCTGGATAAAGCGTTATCTTATGTTCAATTATTACCCCCCTTCTC
TTAGGGAGGTTCTATGTACAAAAGACCCCTCTATTCTTGGAACTTAAGAGTTGATCTTGTATAGGACTCGTCA
ATTCAACTATTCACATTTTTGTCCCTGTAGACCTCTCGATTCCAACTTTAGTTTTGTGTATATTTAGTCTTTCA
ACTTTCATTGTGCAATTTAGGAATGTTTGATTTGTTTCTGACTTTTAATTTATATCCATCTAGTGATTTGCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12174BT025331|Arabidopsis thaliana At5g06830 mRNA, complete cds

GGAGCAACGAAATTCTATGCAAAAACAATGCAAGCCCCGATGATATTCGTAATCTTCCAATCGACATCACATT
CTCCCGTCTTGGTGAATGGCTCGTCGATCGGAAAAGAATCCCTTCTGATTGGCGTAAGCGTTTAGCTGCGTTG
AAAGTTCGCATCACCAAGGAGCTCTTGTCGCTCCCCAAAGATGCCGATCCCTATTTCCATACCTTAGACCCTGA
AGATATTGGTTATTTAGAGGGCAAAGAAAATATATAATATTCTTCTAGAGTCAACCCCAGAAAGCCGGAATATA
TTTGCCGGCTATCAGGTGCTGCTGGTGTGGGAGGTGATTGTACGAGCTTATGAGAAGGATCATATTTTTC
TTGGCGAGGCTGCTCAAATAATTGTTGAGAATGTGAATTATGAAATCCCATATCAGAAGAAACAGGTTCAAAA
GATTCATCAACAGCTAGCTGAGCTGGAACGTAAAGAATCTGATACTAAAAGAAATGCTTCTCTTTCAGCAGCT
AAATATGTCGAGGCTTGTGAGGATCTCGGTTTGAGGGAAAAAATGTTAGATCTGAACCTTCTGGAGACTGCAA
GGTCCCTTCCAAGCACATTTAGCAGAATATTGGAAGTTATAAATGGTGATTCAGTGTACGTGCTATCGAATAC
TATTCCAATTTTGTAAAGGGATGCTCACTCGGATAAGGATAAACACTTGACTGTATTACCAAACCTACGGCATAT
ACATGAGCATCCTCCTTCTTACATGTATCTGTGGGCTTTGAGAATGTTGATTCTGTAAATGTTCAAGCTA
CATAGAACCAGATGCTATTGGACAAACAGGAATTGCTGCCGATAATATTGACTGGGATATATCAATGGAAAAT
GATCAAATTGATTGGGATATAGGTGCATTGGAAGAACTGAGGATACAGGAAATGGTTTGGGACCTTATGAA
ATAGTTCATGCAAGTGAAGCTGTGGAATCATACCAATGGAGTCTAATAAGGAGGGTTGTACTACATTGCCCC
AGGCTACTGTGTCTGAGATATCATGGGATGTCAGTGTGAAACACCGCAAGTTGATATCATCGATGATGTAAC
CTTGCCTGATATAGTGGTGGATCATAATACATTCATCTTCAACTCAGTCTGGAGAAATCACTGAAGTTCGGA
GTCAGCTTTTGGAGACTGAGTATAGGAATAAGATTCTTGATGATCTATATGAGGTAAAGGCATTTCTATCTCAA
CGTTTGAATGAGTTGAAGAATGATGAAACACTGTCTTTGCAACATCAAGTCCAGGCAGTTGCTCCCTTTGTGCT
GCAGCAATATACTTCTGATGCCATTGAGACGATGTTATCAGATGTTTCCTTGGCTATAACATTAATGTCAAGTA
GGAAAACCTCAAGATTTAATTATGATTCTCAATTCTAAAAGGTACTACAATTACTAGGTCAATTGTTTTCTATTTG
TTCAAATCACCTCTCGTAGGAATTTTCCAGATTTGATTACAAAATTTCTAGAGAAATGCAATAAAATGAAGT
TACTTGTTACTCAATTTCAACCACATTTTCAATAAACTACTATCCCACTTAATTTACTATTCTAAGTTCTCATGTCT
TAGCTTTTTCTGTGGTGCTAATATTTAGTTTTTGTGTAACATCTTTGATTGATGAATTAACATTGTTAAAGCTG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12175EF640319|Lupinus albus GDP-dissociation inhibitor mRNA, complete cds

ATTTTGGTATGCATGCCAATTGACTCCTCCAGGAAGAAGGAAGCCCTAGGTTGAACAAGAGGATCTAGTCGC
TCATCAAATCTTACTGTAGATCCATTTCCACTTCGTATTGTTCTCTAATTCTTCTTTTCTCACACCTTCAATCGCC
ATGGATGAAGAATACGATGTTATTGTGCTTGGAAACCGGTCTCAAGGAGTGCATCCTCAGTGGTCTTCTCTCCG
TCGATGGCCTTAAGGTTCTGCACATGGATAGGAATGACTATTATGGAGGGGAATCTTCATCGCTTAATCTCATT
CAGCTTTGGAAGCGGTTTAGGGGAGATGACAAGCCACCTGCCCATCTGGGTTCTAGTAGGGACTACAACGTG
GACATGATTCCAAAGTTTATGATGGCAAATGGAACACTTGTGCGTGTCTTATCCATACAGATGTAACCAAGT
ATTTGTCTTTTAAAGCCGTTGACGGTAGCTATGTGTATAACAAAGGAAAAGATTCACAAAGTTCCAGCCACAGA
TATGGAAGCTCTTAAATCTCCACTTATGGGCTTATTTGAGAAGCGCCGAGCTCGCAAGTTCTTCATCTTTGTTT
AAGATTACGATGAAAGTAATCCTAAGACACATGAAGGAATGGACTTGACAAGAGTGACAACAAAAGAATTGA
TTGCAAAGTATGGACTGGATGACAACACTATTGACTTCATTGGTCATGCATTGGCACTTCATAGAGATGATCG
CTATCTTGATCTGCCTGCATTAGATACAGTAAAGAGAATGAAGCTTTATGCGGAGTCTCTTGACGCTTCAAG
GAGGGTCTCCATACATCTATCCTCTATATGGATTAGGAGAGCTTCCACAGGCATTTGCTCGCCTTAGTGCTGTC
TACGGTGGAACATATATGTTAAACAAACCTGAGTGCAAGGTGGAATTTGATGACGAAGGAAAAGTTATTGGT
GTCACATCAGAAGGGGAAAAGTCCAGGTGCAAAAAGGTTGTCTGCGATCCTTCTACTTGCCCAACAAGGTCA
GGAAGGTTGGTAAGGTTGCCAGGGCCATTGCCATAATGAGCCACACAATACCAAACACCAATGATTCCCATT
GGTGACGATTATTATACCGCAGAAGCAGTTGGGTGCGAGATCGGACATGTATGTTTTTTGTTGCTTACTCTC
ACAACGTTGCTCCAAGAGGCAAGTTTATTGCTTTTGTACCACAGAAGCTGAGACTGATCATCCCGAGTCAGA
ACTAAAACAGGAATTGACCTGCTGGGGGCCATTGATGAGATATTTTTTGATACATATGACAGATACGAGCCA
GTCAATGAACCATCTCTGGACAATTGCTTTATATCCATGAGTTATGATGCTACAACACATTTTGAATCAACCGTT
GTTGATGTGCTCAACATGTATACAATGATAACTGGCAAGGCTGTTGATCTGAGTGTGGATTTGAGTGTGCTA
GTGCTGCAGAAGAATGACAAAGCCTCGGAATGCTTTTTTAATAGTTGCTTCTCTTTTTTTCATTCTCTACTATC
ATCTATACCCTAAAAGTTAGAGATGTGCTTGTATTTTCTGTGAAAAAATGATTTGATTTGGTCCCGTGTTC
TTTATTTTCATGGACTAATTATNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12176XM_002884971|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription factor, mRNA

TCTCCCTGTTTTTCCGTCAACCAAAATTAACTCTTCATTTTTTCTTCTTTACAGAAATTATGCCATTTTCGCCG
GTCAACCCCAAACCTAACCTTAACCTTTATCTCTTCTCTCTCCGGGATCGTACCATTGCGTTCCAGATCG
CGGCATATCTCCGGCCCATGACGGTACCGGACCGATTGCGATGTGCCGGTGAACCAACATCACGTTATTTCCA
TCTAGTTGCCAGATCGGTGCGCAACATTTTCGGATCGGTGATTTTTGTACGAAATTGGACCTGATTCCATGAA
GGAAGACGACGAGATTCACTCCTATCCGTGCGCGGAAGTGGATCTCCTGCTTCCCGATCTCTAACGGTCGG
ATTACCGTGACGGTTGCGGCGGTGGCGCCTCCTCCTCCGCCTTCTTCTCAGAACATGATAACCTTGGCACT
GCCGAATCAGCAGACCAAAGGTGGCGGCGGAGGAAGCGGCGGAGGCGGAAGGGAGGATTGTTGGAGCGA
AGGCGCGACGTCTGTGTTGATCGATGCTTGGGGAGAGAGGTATTTGGAAGTGAAGTAGAGGGAATTTGAAGC
AGAAGCATTGGAAAGAAGTTGCTGATATTGTGAGTAGTAGAGAGGATTATACGAAGATACCGAGGACTGATA
TTCAGTGCAAGAATCGGATTGATACGGTCAAGAAGAAGTATAAGACTGAGAAAGCTAAGATTACTGCTGGAG
GAGGCCCCAGTAAGTGGCCATTTTATGATAGATTAGATCAATTAATCGGTCCGACTTCGAAGAATGTTGCTTCT
ACCGCGGGTGTAGCCACCACTGTTAATCCACCTCTACATCAGAACCAGAAAGTTCTGTAGGAATTCCTGTAGT
GAATCGATCTTTAATCCCTCCAAGCTCATCATAATCATGGTCATCAACAGCAATCAAAGGGGACAAAAGCTC
AAAAGATCCAATACCACAAGCGGCCTCGAACGACTGATTCCGATTCTCAGGCTCCGACAGAGAAACATCCCC
AATTCAAGTGATAGTTATCTGCAAGGGAAATTCCGGAGGAAAAATGTTAGGGTTTCAGAAGGAGGCGGTGA
ATCCGAATTTGGGGAAGACAGAGAAGGGAAAGAATGGATCGAGAGAAAAGGGATGGGGAAATGCTGTGAG
TGAATTAGCACAAAGCAATTTTAAATTTGGTGAAGCGTATGAACAAGCAGAGAGCTCAAAGCTACAGCAAGT
GGTAGAAATGGAGAAGCAAAGGATGAAATTTGCCAAGGATCTTGAATTGCAAAGAATGCAGTTCTTCATGAA
GACCAATTTGGAGATCTCGCAGCTTAAACATGGAAGAAGAGTTGTTGCTGCTGGTAATCATCATTGTAGCAAC

AACAACAACAGTAACAGCGATAGCAGCAACTAGATGATGAGATGCAGAATTAGGTAACATTTTTCTCATCTT
TGCAAATGTTAATCTGTATTAGTTTTACTCTTTATCTGTATCCTAATTTATCATTCTCTTATAAAATTAACCTGAT
CAACATGTTCAAAGCCTAGTAGTGATTTGTCAGTGAGTCTGTTTTACCCATTAAAATTCATCATCATCTACTCT
TTAGTTTTCTTCATATTGGAAGAAGAAGGGGAAATAGTTTTCTCTATGTAAACACTGTTAATTAGAGGAAAAC
GATGAAGTTAAATCCATTTGGAATGAATGACTGTTCTTT

>trans_s_12177AL161550|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 50

TTCAGTGCTTCCCCAACTCCCCACCTTCCCTAAAACTTTTCTTCCAAAAACAATTTCCATGGAATTCAATTCCAA
ATAAACACTCCATCTTCTTCATTTCTCCTCTCCCCATCTCCTCTCCCCATCTCCTCTCCATTCCCAACCATGGCTTT
CAATTCCAAATTCCCAAAGAAACCCACTGTTTCCCCTCCCACTGCAACCTCTGCACCACCTTTTTCTTCGTTGTT
CTCTTCACCGTTCCCACTCTGTTTCTCCTCCACACTTCCACCATCTCCGTCTGCTCTCTCTCTGCCTCCACCACTCG
TCTGAACTCATGGTTCGGAGATCTTCGCGATGCTCAATTTCTTGAATCGCCTAGCTTTTGATGAAGATAAAC
CGCCACCTGGTGTTCGAAAATTGCAGTATTCTCTCGTAAATGGCCGATCGGAACAACCCGGGTGGGATGGA
GCGGCATGCTCACACGCTTCACACGGCTCTGGTTCGCCGTGGCCATCGCGTTCATGTTTTACCTCACCTGTGT
CTAACTATGGCGTCGTTCAGAACCTCTCTTCTGAAACTTCAGTGCCGACCATCCATTTCCATGAAGGCGAACCA
GGCCGGTGGCGATACAACAAAGCGTGGGAGCAATTCGAAGAAGAAAACACCGAGAACCATTTCGACGTTGC
TCACTCAGAGAGCGTCGCACTTCCCTCACTGGTTAGCCAAACAGCTCTCGAATCTCGCAGTTTCTTGGCATGGGA
TTGCCTTAGAGAGCTTGCAATCGGACATATTCCAGGACCTAGCTCGCCGGCCGAACGAGCCGGTGTGCGCCAGC
CTTCAACAAGAATATTCAAGGCGACCTCCCGAAGGTACTGAATGAGATCCGATTCTTCAAAGATTATGCTCACC
ACGTCGCCATAAGCGAAAGTTGCGGAGAGATGCTTCGAGATATGTACCAAATTCCAAGCAGAAGAGTCCATG
TAATCGTCAACGGCGTCCATGAAGACGATTTCCGAGAGGATTTCAAATTAGGGCAAGAATTTAGGGCCACAAT
CGGTATACCTAGAAACGCGAGTCTAGTCTCGGAGTCGCCGGAAGATTAGTGAAAGACAAAGGCCATCCGCT
ACTTCATGAAGCTTTCTCCATCATCGCAGAGCAACATCCAAACGTCTACCTGGTGGTCGCCGAGCAGGACCA
TGGAACAACGGTACAGAGATCTAGGTCCTCAGGTTCTGGTATTAGGATCGATGAGTCCGTGCGAACTCAGA
GCTTTCTACAATGCGATCGACATCTTCGTGAATCCACGCTCCGGCCACAAGGCCTGGATCTAACTCTGATGGA
GGCTATGGCGAGCGGAAAGCCGGTAATGGCGTCGAGGTTTCCGAGCATAAAGGGTACCATTGTTGTGGACG
ATGAGTACGGGTTCCTGTTCTGCTCCAAACGTGGAGTCGTTGGTAGAGACGCTGGAAGCGGTGGCTAAAGAAG
GTTTCAGATCGGCTAAGACGGCCGGGGGAAGGCTTGCCGGCGATATGCGACGTCCATGTTCACTGCCCCGAA
ATGGCTCTGGCATAACGAGAGGTTATTTCTTTGTATTAAAGATGAAGCATTTTGTAATTATCCTTAATTTTTATT
TTATTTCTTTCCAAATTCCTATCTATGTTGTGATTAACCATTTTCATTCATAATTTAGAGAGCTCTTCGCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12178AB294395|Cyclamen persicum CpYcy3-12 gene for tetrahydroxychalcone 2'-
glucosyltransferase, complete cds

ACTTATTTATATTCAAAAAGATAATAACAACCACCACCAATGGAGTTTTCTACAACATCCATTGAGAAGAAGTA
GAAGAAGGAAGGAACACCACTGATTCACTCCATCCTCCCAACATGCCGACGGCGGAACCTGGTTTTCTGTCCTCCCA
CCTCGGGAGTGGGCCACCTCGTCTCCACCATCAAATTCATCACTCAATTCCTTAACCGCGACCCTCGATTACCC
GCCACCATTTCTCGTCTTCAAATACCATTCGCACCCACCACCACCGACGGAATCTCCGATCCTCCGCCGTCTAAC
CCCGCTTCACTCCGACCACGCCGCGTATTCGGATCATCCATCTACCCCTTCATCCGATCCTCCTTCTCCCAAA
ATCTTATCCAAGTCCTTCGAACATTACTACTCTCTATATCGCGAGCTACAAGACCCTGGTTAAAAACGCCATA
ATTGACCTTGCCGTTCCGGTTGTTGGGTGGTTGTTGATCTTTCTGTACTCCCATGATCGATGTGGGTAATGA
ACTTAGCATCAATACGTACGTCTTCTTCACTTCTGTGCTGGATTTCTCGGGTCCATGTTTCATCTTGAAACCCG
CGATCGATGTGTGGTGTGGAATTCGACAAATCGGGAGCTGATATGATAATTCGGGTTACGCTAACCCAGTT
CCGACGAGTGTTCCTCGTTATTCGTTTAACCGATACGGATTTCGAGTCCATGGCGATTACGCTCGAAAGTT

CAAGGAAGCGAAAGGAATCATCGTCAATACCTTCGCTGAGCTTGAACCTTATGCTTTCAGTTCATCCTCTGAAG
ACGGAATCCCTCCGATTTATCCGGTGGGGCCGGTGCTGGACCTGGAAAGCGTAAATAGGCCAACACCAAATG
AAAATCAGAGCAGTGAAATTAGGGTTTGGCTCGATAATCAGCCACCGTCATCAGTGGTGTCTTGTGTTTTGG
TAGTCGGGGATGTTTCAGCCAACCCCAAGTAGTGAAATAGCAAACGGTCTTGAAAGTAGCGGAGTGAGGTT
CCTCTGGTCCTTGCGCCGGCCACCGCCGCCGACAAGAAATTTGAATCACCATCGGATTATGCCGATCCTGAC
GATGTCTTGCCGAAGGGATTCCAGGAGAGGGTTAAAGGGAAAGGAAAAGTCTGTGGGTGGGTTCCGGCTAGT
AGATGTTTTAGCCCACAAAGCCATTGGAGGCTTCGTTTCACACTGCGGATGGAACCTCTGTTTTGAAAGCATT
GGCATGCGGTGTCGCTCGTGACTTGCCGCGATGCTGAGCAACAGTTAAACGCTTCAAGCTGGTTAGAG
AATTAGGAATAGCAGTGGAGTTGACGATGGAATACCACAGGGAACTGAATCCCTGGTGACTGCAGATCAGA
TTGAGAGAGCCGTTTCATGTTTGATGGACGGCGATGAAGCAGGGGAGGTGAGGAAGAGAATGGAAGAAATT
AGTAAGAAAAGTAGAGAAGCTCTTGTTCCCGGTGGTTCCTTACACTTCATTTGGGAATTTGATTGATGATAT
GTTGGCTAGTTCTGTTTAGTATCTTATATCTTATTATCTGATTCTGATCTGATATCTATGTTTTGAGTCTGCTTT
TCATGATAATCTATCAATCTATGGAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12179XM_002890226|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F15H18.11, mRNA

ATAACAAGAAAAAAAAAAGTTAACAATAATTTATACTTTCTCGGTTTGATTCTCATCTACTTAAATTAAAAAA
GAAAAAGAAAAAGAGAAAAAAAAAAAAACAATCTTATTCATCTTCACCATTAAAAGAAATGATAGAAGAACATTT
CTGTAAAGAAAAACAAGATGTGAGACATCCAGGGCCCGTTTGAAGAAAAGAAAGGATGGATGAAACCCGTC
ATAGGTGTTTGCTCTGGTATTGGAGGTGTACTGTTAATGGGTGTAGCCTCTTTCATCTGGCTTTGTTTGACAA
AAAGAAGCTTGCTCGTTCTTATACTCCCTCCTCATTTCTCCTGCGAAACAATTCCAGTGAACCTTCAACGAAGG
AACTTGAGAAAGGAGAAAAATGATATGGGGCTACCTTTGTTCTTATGAAGAGCTTGAAAAAGCCACAGACA
AATTTAATCCAGCCAAAGAACTTGGAGATGGTGGCTTTGGCACTGTCTACTATGGCAAACCTCTCAGATGGGCG
TGAGGTTGCAGTGAAACGATTGTTTGAAAATAACTACCGACGAGTTGAGCATTTTCATGAATGAAGTTGAGATC
CTTACTCGTTTGCGCCACCCACATCTAGTCACCTTTATGGATGCACCTCTCGACTTTGCCGTGAACTCTTGCTG
GTTTATGAATTCATTCAAATGGTACTGTTGCCGATCATCTTCATGGCAACCGAGCAAAACCTGGTGAGCTTCC
ATGGCATAACAAGGTTGAAGATTGCCATAGACACAGCAAGTGCTCTGGCCTTTCTTCATGCTTCTGAGACTATCC
ACCGAGATGTTAAACCACCAACATTCTTCTTGACAACAATACTACAATGTTAAAGTCGCTGATTTTCGGACTATCT
CGCCTTTTTCTACACAAGCCACCCATATTTCAACTGCTCCACAAGGAACTCCTGGCTACGTTGACCCGGAGTA
TCACGAATGTTATCAACTTACAAATAAAAGCGATGTCTTCAGCTTTGGAGTAGTATTGGTTGAGCTGATATCTT
CGAAGCCTGCAGTTGATATCACTAGGCACAGACATGAGATTAACCTGTGGACAATGGCAATCAACAAGATTGCG
AAACGACGAATTACACGACTTTGTAGACACATCTCTTGATTGAAACAGATGAAACAGTGAGAGATATGATA
TGTGCAGTTGCAGAGTTGGCATTTCGATGCTTACAAAGTGTGAAGGACACAAGACCGTCGATGTTGGAAGCT
CTGGAAATTCTAAAGGACATAGAGAGTCGAAGTAGTGGCAAAGGAAAAGAAGACATAGGCATTTTACACA
CGAAGACGATGTGCTGCTGAAGGATGGCTTAGTTCCAGAGTCTCCAGATTCTGTTGTCGTGCCTTGATGAGC
AAATCATCAACACCAAATGGCAGTAGCTAAGTTTTCTTTGTGGGTTTCATGGTAAAGTAGATGTTAACTTTA
ATAGCACTGCCTAATCCTTTTTGTTCTTTACCCATTATTATCAGCTTTCTTAGCCCCCTTTTAGGTTAATCAGA
TGTACATATTTGAGATTGAATGTAAAGCTCGCGTTATCATTCTCCATCCACTTCTCCCGCGTGCTACTGCTCAT
GAAAAAAGTAAGATAAGAAAAATACGAAGGAAAAATAAATATGTTGATTGTATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12180NM_114784|Arabidopsis thaliana DMS3 (DEFECTIVE IN MERISTEM SILENCING 3)
(DMS3) mRNA, complete cds

AGTTGTAACAAAAAATATGAACTAAAAATTTGTTAAGGAAAGAAAAAGACAAAGGGAAAAGGAAAAGAA
TAGCAAAGAGGGGAAAGAGAGTGAGAAAGGAATTGGCATCAAATCGAATTGGGCGTTTTGACCTTCGACTGC
GACACAACCAGACCGGAGCTACCAGGTGGAGACTGGCTGCCAGAAGCCGGTCGCCGGTGGGTGGAGGAAG
AACACACTCGAACAACACTTCTTTCTCTTAATTCTCACCGCCATATTCTTCCATTCTTCAATTCTCCTCTCATCTCA
CCTCCCCGGCCATGCTTCACCAAAACAATATGCAGCTGGCTATTTCGGATACCGTCATCGCCTGCCCAAGATTCT
CCACAGAATATTCAAGTCGATCAAAGTGACAAAAATGGGAGCTACCCACATGCCGAATACATCTTCAACTATT
CCAAGAACTTGAAGAGGATCTACACATGTTTGAATGAAAATAAAGCAGCACGAAGACAACATTAAATTTCT
TAAGACTCAGAAAAACAATTAGATGAATCAATTCTCGACTTGCAAGTTATTCTAGGCAAGTATCATTCTTCTG
GCACACCTGTGGGGGAAAACGAGGTTCAATCCCATTTCTCAAAATGATGAGGAAACAATGGAACAGATTATGC
GGCAGGAGAAATCTGCTGCTAGCATTATATGTAAATTGAGCACACATCATGGTCTTCAGGCTTACAACCTCAT
GTTGACAAAGGACGTATTGGGTATTGTTGCTCGGCTTGAAAAGTTGACGATGATAATCTTAGCAGATTGCTC
TCTGAGTACTTGGGAATGGAACTATGCTGGCAATTGTTTGTAACATATGAGGGAGTGAAGGTGCTAGAA
ACATATGACAAGGAAGGTTGCATAAACAAAAGTCTTGGCCTTCATGGTCTTGGTGCTTCAATTGGAAGGAACT
TGGATGGCCGGTTTCTCGTAATTTGTCTTGAACACTTGAGACCATATGCTGGCGACTTTATTGCCAATGATCCA
CAAAGGAGGCTTGACCTTCTAAAGCCAAGATTACCTAATGGGGAGTGTCCACCTGGCTTTCTAGGCTTTGCTG
TTAACATGATCAATATTGATAGCACACACTTGTTTTGCCTCGCAGCCAATGGATATGGTCTCAGGGAAACCCTG
TTCTATTCTCTATTTTCTCGTCTTCAAGTATATAAAACCAGAGCAGACATGCTGCAAGCTCTCCCTTGATTAGC
GATGGTGAGTATCTTAGATGGAGGAATGATTAAGGCTACTGGTGTTTTTTGCTTGGGCAATCAGGAAGATT
TCAGTTGAGATTCCCAAAGGCCTCAATGAAATCAAGCCCGCCTGAAAATTACATTGAATCTGAGAGGCAGATT
AAAGGACTCAAGTGGAAAAAGGAAAAGATGATTAAGATATAAGGAGAGAACAAGCGTTACTGGACAATACG
AAGGTCAATTTTGACAGGAAAAAGGCGGAGTTTCTAAAGTTTCTGACTGAGAGCTCATCATATGCAGCTCAGC
AACAACCTCAGCCAAGCCAGAGAGGTTGACACCACGATGAAGTTTGGAATAGAGAACCTAGTCTTCCAGTG
AACAACCTGGGGGAGGAACTACTGTGAGAGCAGTCAGCTGCAATATTTAACTCTGCAAAAATGTATAAGCTTC
TTATCGCATTTTTGAGGTAAATATCTTATGTTTTAGCTG

>trans_s_12181AY104386|Zea mays PCO096835 mRNA sequence

AGGACTCGCATACCTTGAGAAGTGTGTGATTAAGAAGAAGAAAACTCATACAATACATACACATAAACTCATC
TCTCTCTCTCTTCATCTATAACAATGTCGTTCTCCCTAAGTTTGAGGATTCCAGAACCACGCAGAAGGAAA
GTACCTTCAATTCCTTCTGATGGTTTTCTAGGGGCGTACTACAATACTCTTCTGATCAAGCTTTGACACCGTT
TACAAAGTTTCGAGATTGTGCCCAGACAAGGATGGTAAATATTGGCACATAAAATGTTGCTACAATGACAAGTAC
TTGGCCTCTTCCGACGACCACAATCGCTTTGTTACTCCCTTCGTTAGCAAGCCGAGTGAAAACGAATCCTCAAG
GCCATGCACAATGTTTAATATAATGCCTGGTCTACTACAGGGACTTACTATTTGTTGATGTCTCGCTACAAA
CCTATGCACGTCGATGTACCAGTAGCAGAATTCATCCCAATGTTCTCACAACTAGGTATAGACGTGATGAAAA
CCGACACGACGACAAATTAGTTTTGTTAGTGCAGTTTGAAAACATCATCCGACTCCCCAAATACCTCTCCTTTAA
GAACAATGACAAGTTTCTCGCTGCCCATACGTATTATAATTCCCCATATTTGCAGTTCAATGCAACCGACATTG
GAAACCTCTGGTGAGTCACGAAATTTTAAAGTCGGCGATGGAAGTGTAGAATCAAGAATGAATCTACCAA
GAAGTTTTGGAGACGTGACCCAACTGGATCCTGGCTGACTCAAACGACCAGACAGCGCACGACAAGAACAC
CTTGTTCTGGCCGGTCAAGATTGCTAAAGATAAAGTCGCGCTTCGAAACGTTGCTAATGGCAGGTTGTTACA
AGATACACTGGTGATGGTAAGGTGGATTTTCTGAACGCTAGTAGTGAACTATCACTAAGCAGGCAGAATTG
GAGATCTGTGAGCCAATTGTTTCAAGGGAACCTGCGACTTTAAGTACCGGACTATGGATGCAAAGATATACG
ACGAACAAGTACTAACAATGGCAACAGAGGAGGCTGTCAACACAAGCTCGAAAGAGACGGTTATGACTGTAA
GTTTAAAGTACATGGAAGAAAAAACTAGAGCTTGGAATCTTCGTTGACCATAGGTGTGGGTATAGAGGCTT
CCATCAAAGCCGGGATTCTGAAATTTTGAAGGTGAGATTAAAACCACTTATAGTTTTGAAGGGAATTACAC
ATGGGGAGAACTATTCAAGAACTAGAGAAGTAACGGCAACATATTCTGTTCTGTACCACCAACACAAG
GATGAAAGTTACTCTTCTGCAACTAAGGCCAAATGTGATATTCCGTTTTCATATACGCAACGAGATCTTCTCC

GAAACGGAAGAAGAGTTGAGACAAAGTATGATGATGGTATTTTTAAGGGAGTCTATACCTTAAGTTTGATTA
TCAAAACAAGCCTTACCCACTCCATTCTAAATAGTTCGTCATCACTATACCTATGTCATCTCGTGGTTGCTACCA
CTATACCAACTATAGCCATCATCTACTATGTCATCTTGTGTGTGCTTCTTAATTTTTCTTTTACTTTTCAGTGTGG
TAGCTTTATCTCTCGTCTTGATACAGCTTTAAATAAATAAAAAATGTCTATCTTATTACTATGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12182AY108252|Zea mays PCO090236 mRNA sequence

GTTGTCCTTTGGCTTCAAGCTTTTAGGCCTTGCTTGGTTCTCCGACCTTATAGCATTTTCATCTCCTCCTGCTTGG
CCCTTTAGCAAAAGAGTTGAAGAATTATCCACAGTGCCTATACAAGTTTCTATTGAATGTGTTAGTGCTTTGT
TCTTTCTCCAACCCATTGTTGGGTTCTACTATTATGTGGTTTTTGTGTTCTGAACTATCTTCAATTATCGTAAT
CTGTGTTAGCATAATCTTAAGAAATGATTTCTACAAAATCTGAGTCTGATGTTACCAGTTTGGCGCCATCATCG
CCTTCGAGGTCACCAAAGCGCCCAACATACTATGTTTCAGAGCCCTTCAAGATGTTCTAACGATGGGGATAAAT
CTTCCTCAATGCATACCACTCCAATCTATAACAACAGCCCAATTGAGTCACCTTCACACCCGTCGCTTGCCCGG
CATTCGAGAACTCATCGGCGAGCCGATTTTCGGGCATTTTCGGTCATCTTCTGGCAGAAAAGGAAGTAAGA
AGCAGATTAGTAATGAAAAAGGATGGCCTGAGTGTAATGTAATCATGGAAGAAGGACCTTATGATGACCTTG
AAGACAAAGCTCTGTCAAGACGTATTCAAGTTCTAATTGCTCTCCTGAGTTTCATTGCTTTGTTCACACTTTTCT
GCCTTATCATTGTTGGGAGCGAGCAGGCCTTTCAAGGCTCAGATTTCTGTCAAGAGCTTGGCTGTGCACAATTT
TTACGTTGGAGAAGGGTCAGATTCCACTGGGGTTCCTACCAAGTTGCTGACATTGAATAGCACATTGAGATTA
AGTGATACAACCTGCTACAATATTTGGAATTCATGTTACCTCCACACCAATTGATCTCATTATTAGAGATT
GTTGTGGCCTCTGGTCAGTTGAAGAAATATTACCAACCAAGAAACAGTCACCGGAGAGTATCTGTCAACTCGG
AGGGAATAAAGTTTCTATGTATGGAGCTGCATCAACTTTGACTGTTCCCCCAACAAGTAGCCCGGTTCCAAT
GACATTGTCGTTCAAAATCCGGTCACGAGGATACGTGGTAGGGCAGCTAGTAAAAACAACATATAAAGCA
AATCTCTTGTCTGTGGGTATTGATTCTACCAGCAACAAAGCCATCGTGTTCAGAAGAATTCTGCACATATG
AGTGACTGTTCACTGGAGTCCTAAATTCGTATCGATTTGATTAGTCTGTCTCTCAATGAATTTGATAAGAA
ATTTTGTCTGCAGATTGTTTTTTTTGTTTCGTTTGTGCAGAGATACCTCAGTATGAATAAAGAGTGTTGCCTTTG
TAAAGATCCATCTTTTTTATTCTGTTCAAGAAGTGTTACTAACTGTGAAGATTCGTTCTCCTGGCAATCATTTCT
TGGATGGCGTCAAATGACTAACAATAACAGGAACTTCAAATGAAAGCACACTTAAATTTCAATTTACAGAA
GATCAAGTTTTGGAAGAGAACTGATCAAGAATTCTACACCGAAGGTGGCCTTAAATGTATTTTTATCTGAAGA
ATAGAGAATATATGGTAAAGTTATGTCAAGATGAAGCTATGAATATGGGAATACTTGTGTTTATGATGTGAAT
TAACCAAAGGAAGTATGACCAATTTAGTGCTATTGATTTTTCAATTGATTTCTTGGTTCACAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12183AL161593|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 89

AATTTAATGGCGTTTCCACTTTCCACCCATAATTCCGACCAACTTTCCACAAGTACTCCTTACCACCTCTTCT
TTTTCATCTCAAGATTCTCTCTACAGACCCCTTTTCTTTTCTTCTCTGTATTGGGCCAGATTTTCTACACCCTAC
TACAATCTCCCTCTAGAAGAACAAACACTTTGATTCAACACACAGGTTTTTTAAATGGCTGGAAAAGGGAATG
GAAGTTTAGATTGCACACATGCTTCCAATCCCTACCATGTTTGCTCTGAATACTGTTTGCAGAAAGGGTGAA
AGCAAGAAGCAGTTAGTTAGGAAGGATTCAGACGATAGTGCTCGGAAGTTTAGTAGCGAACGTAAAAAGAC
AGTTCGTTTCAGATTGCACTAGGCGATCTAATCCTTACCATAACTGTGATGAATTCTGCTCCAACATGACCACTC
AATCTGGTAGGCCAAAAGCAGAAAGGGATTGAGCTGTAGGATCAGGTGGAGCAAGGAAGGATTCACTGCCA
AAGTCGCCCCGAAGACTCAACCAACCTTTGGCAAGTGCTGTTTCATCCAAACCTCAAGTAATAAATCATGTGT
TCCCCAGAGAGTTCTAAAACATGTGTTTCCCCAGAGGAAAGAACTCGCTTTGTTGAAGACTCTTTGACGATTG
AGGAGCAAAATAAGTTCTTAAGTTGATTCTAGTTTCTGCAATGCCCTGAAGGTTGAGGCTAATAATCTCCA
GAAGCTCCACAAAAGTACTCAATTGCTTCTGTGAAATCAAAGAACAATACTACTACAAGGTCCGAA

ATTTCTGAATTAGTACAAGATGAAGATCCTTCAGTTCATGAGGAGGAAGAAGGTAATCATAAAACTACTTCAC
CTAATATCCCTAGCTTTTCTTTCCCCACCATGGCTCCTAATCATAAAGGAAGTGACGAGAACGACATTAAGTCT
GTATCATCAGAGCCCTATGTACCTGTGGGGAAGTACTATGTTAAAGCAAGTTTAGCTCCCATTTCTGCAATCGGT
CTTCAATAAGCATGGAGATATAGCAGCTTCATGTAAATTGGAATCAATTTGATTTCGTTCTTATTATCTGGAGT
GTGTGTGCTATATAATTCATGAATTGCAGCGCACAGAATTCTCTCAGAAGGTGTCTAAGTCCAAAGTTAAAGA
ACTCTTGGCCATCCTCAACGATGTAGTGTCTTCAGAAATGAATGTTGGTTGGCTGCATAGTATACTAAATGATA
TTGCAGAAGCTGTTGAATCCTGTGGCCAACAATGGACTCTGGAGGTGGCCAAGGCGAATTGTGACCACGAGT
TGGAGCTCATCAAGAATGAACTCGAACTCGAACAAAGGATTTGACAAGAAAAGAAAAGGAAATGAACGAT
GCAAAGGAAAAAGTTGCTGATACCAGAGCTCGCTTGAGTGAACCTTGAGTCCAAATATTTACAGCTGAACAAG
GAGATTTTCATCTCTGCAGTTAAAGGGTAATGGGTAAAATACAATGACTTGACTGTTGATCTTTTGTAAGTTT
GTGGGACTGGTTTATGATTTGCTGTCATTTAGAGATCATATGAAACCTCCTACGAGGCAAACCTTTTAGGCAAG
CTAGAACAGAAATACTATCATACAAAAGATGTAATGAATAAAAAGTTTGTAGCTTTTCATGGCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12184AB026822 | *Cucumis sativus* CslAA2 mRNA for Aux/IAA protein, complete cds

ACATCGGACACCAAAAGGCTTTTGTACTTTGTGCCAAATGGAGGGTCCTTAGCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
ACCTTCAATTTTCTCTCTGCCTTGTACTGCTAAGAATCAAACACTTCTTCAATCTCTACTACTTCTGTTTAA
CTCACTGATCTTCAGATTTATTAGATATAAAATCCGGGGCTTTTTCTTTCTGGAATTTTGATGTCTCCACCATTA
CTTGATGTTGGGGAGGTGGAGGAAAGTCGCAGCAATGTCACTCTGTTGGCTTCCTCAAACCTCGATGGAGAGT
GTCAGTCCCAACAATTTGGGATTTGAAGAGCGTAATTACATGGGATTATCTGATTCTTCTTCAGAGGACAGCT
GTATGACTGCCACAAAATCCGATGGGAACAAACCTCGCTGAATCTTAAGGCTACAGAACTGAGGCTTGGTCT
CCCTGGATCTGAATCCCCGAGAGGGATCCGGATAATTGCTTGCCTAGCTCTTCTCAACTTGATGAAAAACCA
CTATTTCTTTGCACCCATCAAGTGATGGTCATTACTCTTCCCCACAAAAGACTGTTGTCTCAGGCAACAAAAG
GGGGTTTTCTGATGCTATGAACGAATTCTCAGAGGAAAAATATCACGCTAACATAGGTTTGAAAGCTGGTTCT
TTGCTAGAGAACCTTGGAAGTCAAATGGGGAAAGTGAAAGAGCCAACTACACAAAAGGCTGTACAAGAGAG
GCCTCAAGAAAACAGTGAATCTAGACCATCTCATAATGAAACTGCTAATAACAACACCAGCGCACCTGTTTCCA
AGGCACAGGTTGTGGGTTGGCCGCCATAAGATCTTTCAGGAAGAACACATTGGCTACAACTTCAAAGAACA
ACGATGAAGTTGATGGAAAGGCAATGGCTGGGGCACTCTTATCAAAGTCAGCATGGATGGTGCTCCTTATCT
TAGGAAGGTAGATCTGAGGAATTACTCTGCCTATCAGGAGCTGTCTTCTGCCCTTGAGAAGATGTTGAGCTGT
TTCATATAGGTCAATATGGAGCTCATGGAGCTCTGGGCATGGAGAAAATGAGTGAGAGCAAGCTGAAAGAT
CTTCTTCATGGCTCAGAATATGTTCTAACATATGAGGATAAAGATGGTGACTGGATGCTCGTTGGTGATGTCC
CTTGGGAGATGTTTCATCGACTCTTGTAAAGAGGCTGAGGATTATGAAGAGCTCAGATGCAATTGGACTGGCTCC
TAGGGCAGTGGAGAAAGTGCCGAAACAGGAGCTAGCTAATAACTGCAATGCCACGGTTGATGCTATCCATCCA
AATGTTGGAGCAAGATTGATCTAACTAAAAGTACGTCATATGTGGCTTTGGAAGGTGGTTTCGAGGAACGAA
AGTGTTGGATGGGATAGGTTCTTGTGTGCATCCCTTTGTTACCTTCTGTCCTTTTTTTCTTTCTTTTAATTATTAT
GTTTATGTTACTTTGATGGTGTCTAAGCAGTTATCTAGTTTGTGAACTGAACTATTTAAGAATTAATGAGCAAA
TCTGCAGATTTGTGGACAAGTCCCTGTCCCCTCTTGCAGGACTCCTAAAAGTTTGTAAGTTATTGGTTGTCA
AACTGTGTTGTTTTGAATGTTCTATAATATTGTAACTTTCTGTCTATTTGACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12185AY263347 | *Glycine max* protein kinase Pti1 (Pti1) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTGCTTTTGTCTTTTGTCTCGCCTTGAATCGAAATCCAAAATACTCAAAATCCTTCCAGAGA
AAAAGAAAAAGAAAAACCCCATCCATTCTCATCTGTTTCTTTGTTGTTCTTTTCGTTCTTCTCTAATTCATCCA
GCCATAACCATCTACAGGCTTATGCCCTCCTTGGTTACTTATTACATCCAGATAACAATACTGAGGATTAT

CAATATCGAAGGAAGAAAGTGAGGATGCGCAAGTGGCTTTGTTGTTTTGTCAAGTTGAAGAGACTAATCAAT
CAACTGAAAATGAACACCTGAAAAACCCCAGTAATTTGCGAGATGGTCACCTAAGGGACTCAAAAGTGCCAG
CTCTTGTAAGCTGAGGCACAGAAGGCAGCACTACCAATTGAAGTGCCTACGCTCTCCCGGGAAGAACTGA
AAGAAAAAACTGATAATTTGCGGTCCAAAGCGTTGATTGGAGAAGGTTCTTATGGTAGAGTTTATTATGCAAC
CTTGAATAATGGGAAAAATGTGGCTGTAAAGAAGCTTGATGTTTCTCTGAGCCTGACAGTAACGTTGAGTTT
TTGACTCAGGTTTCTACAGTATCAAGATTGAAACATGAAAATCTTGTTGAATTGCTTGGGTATTGTGTTGAAGG
AAATCTTCGTGTCTTGGCTTACGAATATGCAACCATGGGATCTTGCATGATGTCTTACATGGAAAGAAGGGA
GTACAAGGAGCACAACTGGTCCAGTGCTTGATTGGATGCAGCGGGTGAGAATTGCAGTTGATTGAGCCAAA
GGGCTGGAGTACTTGCATGAAAAGGTCCAACCTGCAATTATACACCGAGATATCAGGTCCAGCAATGTGCTAC
TCTTCGAGGATTTTAAAGCTAAGGTAGCTGATTTTAACTCTCCAACCAAGCCCCTGATATGGCCGCCGCTCTT
CATTCAACTCGAGTTTTGGGAACTTTCGGTTACCATGCTCCAGAATACGCAATGACTGGACAGTTGACTCAAAA
GAGTGATGTATATAGCTTTGGTGTAGTTCTACTTGAGCTTTTACTGGTAGGAAACCTGTCGATCACACGATG
CCTCACGGACAGCAAAGTTTAGTCACCTGGGCTACCCCAAGGCTAAGCGAGGACAAAGTAAACAATGTGTA
GATCCGAGACTTAAGGGAGAATACCTCCTAAAGGAGTTGCAAAGCTAGCAGCTGTGGCCGATTGTGCGTG
CAGTATGAAGCTGAGTTCCGACCAAATATGAGCATCGTTGTGAAGGCCCTCAACCTCTATTGAAGCCCCCG
CACCTACAGGTCCCCCTGCACCAGAGTCTTGACGGCAATGTGTACATGGTTTCATCACCCCTCCGAGTTTGAAT
TCTTGCAAATGCGTCAAATAGTTTCTCTCTAATATGCAGCAACGATATTTGGTTGGTTAACTATATGCATATCCC
TTTTATTTTATTGTATAAATGGTGAGTTTGGATGCGGTAGCATTGCGGTATGGGGTCCGAGTGTCTGGATGT
GTGAAGAAGTATCTGTTTCTGAATAATAATGATGGAGTTTTCCCCCATTGACATTTTATTCTGCCTTCTCAAAA
CTGCAGAGTGCAGATTTACCTGAGGCTAATTAAGTCTTTTTATTCTCTTATTTTTGTTCTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12186NM_119613|Arabidopsis thaliana catalytic/ cation binding / hydrolase, hydrolyzing
O-glycosyl compounds (AT4G34480) mRNA, complete cds

AACATATCGCACCTGCAACTCCATCCCCTATGGCTTCCACTCTTCTTCCCTCTACTGTTTTCGTTTTCTTTAGCTT
TCTACTGGCCACTGACATAGTTTATTCGCAATCGTTCATCGGAATAAACTACGGTCAAGTCGCCGATAACCTTC
CGCTCCGTCAGCGACGGCGAAGCTACTTCAGTCCACTTCAATCGAGAAAGTTGACTGTACGGCGCTGATCC
GGCTATCATCAAAGCCCTAGCAAATACAGGGATCGGAATTGTAATTGGTGCTGAAACGGTGACATTCAGCC
CTAGCGGCCGACCCGAATTTGCGGAAAAATTGGGTTAACGCCAATGTAGCTCCCTTCCATCCGGCGAGTAAAA
TCATTCTCATCAGGTGCGAAACGAGGTGATAACCTCCAACCAAGAAAATCTAATGAACCAACTGGTGCCGGC
GATTGAGAATATTCAAACGCGCTCAACTCGATGTCTCTAGGGGATATTAAGGTTTCCACTGTCCATTCCATGG
CGGTGCTTCGACAATCGAGCCGCCGTCGTCGGGGATGTTCCACCCGAACATACATGACCGTGTGTAAGGAGC
TATTGGAGTTCAACAATGCCACTGGATCGCCATTACGATTAACCCATACCCGTACTTCGCTTATCGAAGCGAT
CCACGGCCGAGACTTTGGCCTTCTGTCTTTTTCAGCCCAACGCCGGGCGGCTCGACACGAACACCAATATCA
AGTACATGAACATGTTGACGCACAGGTGGACGCCATAAGATCTGCATTGAACTCCATGGGGTTCAAGAATGT
AGAGATTGTGGTGGCAGAGACGGGGTGGCCGTACAAAGGGGACAACGACGAAGTTGGTCCAAGTCTTGAAA
ATGCTAAGGCATTCAATGGTAATCTGATTGCGCACCTTCGTTCCATGGTTCGGTACGCCATTGATGCCGGGGAA
ATCAGTTGATACGTATCTCTTTGCACTTTACGACGAAGATTGGAAGCCTGGCCCTGGTTCTGAAAGAGCTTTTG
GATTGTTCAAGCCTGATCTTACAATGACCTATGACGTTGGTCTTTCCAAAAATGGCCAGAGCACTCCAAGTAGT
CCTAAAACAACACCAAGTGACGACTCCGTCGTCCCAGCGAACAACCCATCAACCAAAGCACCAACAAGTCCAA
AGCCGAAGGCAGGAGGAGGCTCATGGTGCTTGCCAAAGGGTGGCGTATCAGACGCCAGCTTCAAGCCAATT
TGGACTATGCCTGTGGAAGAGGGCTGGATTGCAGCGCGATTCAACCTGGTGGAGCATGTTTTGAGCCAAACA
CCATAGCCTCACATGCCGCTACGCCATGAACCTCTTCTTCCAAAACGGCGGCCGTGATCCATGGACCTGTGAC
TTCTCAAATCTGCCACACTCTCTCTAACAACCCAAGCTACGATGGCTGCAATTATCCTGGTGGGAGCACGTG
ATGAGATTAGAATGCAGTTGGATAATTGGATGTAAATTTCTGGAAAAGAGAGGCTTCCAATCTTCATCAAGAT

GAAGATCCATTTTCCACCTTCCAACTCCATTAACATATGTATATTTTCTCTTGGTTTTTTTTTTTTTATTTTAAAA
TATATATTTTATCGTTTTTCCAGCTACAAGGTTGTTAGTAAATTGTAAGTTTGTGTCTCAATGTTTAAATTAGTG
TTTTTTTTTTTATAAAAAT

>trans_s_12187FJ959041|Phaseolus vulgaris RackK1 gene, promoter region and complete cds

ATCGCTCACAACTTCAACACAGCCAAGGCGTAGAACCAAAGCACACCTCAAAAAAGAAAAATGGCGGAAGG
GCTTGTTCTGCGAGGCACAATGAGGGCTCACACCGACATGGTGACGGCCATCGCCACTCCCATCGACAATTCC
GATATGATTGTCACCTCTTCCCGTGACAAATCCATCATCTTGTGGCGTCTTACCAAGGAAGAGAAGACCTACG
GTGTTCTCAACGAAGGCTCAATGGTCACTCTCACTTGTTCAGATGTTGTTCTCTCATCCGACGGTCAGTTC
GCCCTTCTGTTTCTGGGACGGCGAACTCCGCCTCTGGGACCTGGCTACCGGTCTTACATCCCGTCGATTCTG
CGGACATTCCAAAGATGTTCTCTCCGTCGCCTTCTCCATCGACAATCGCCAGATCGTCTCGGCCTCTCGTGACC
GAACCATCAAGCTATGGAATACTCTCGGTGAGTGCAAGTACACAATCCAGGACGGAGACGCTCACTCTGACT
GGGTTAGCTGCGTTAGATTCAATCCTAACACCTCCAGCCAATATTGTTTCGGCGTCTTGGGACAAGACCGTT
AAGGTCTGGAACCTGACCAATTGCAAGTTGAGAGTTACTCTCGCTGGTCACGCTGGTTATGTTAACACGGTGG
CTGTTTCGCCGGATGGTTCCTGTGCGCTAGCGGAGGCAAAGACGGAGTGATTTTGCTATGGGATTTGGCTG
AGGGTAAGAGGCTTTATTCATTGGATGCCGGATCGATTATTCATGCTCTTTGTTTCAGCCCCAACAGGTACTGG
CTCTGTGCTGCAACTGAGAGCAGTATTAAGATCTGGGATTTGGAGAGCAAAAGCATTGTTGAGGATTTGAAA
GTCGATTTGAAAACCGAGGCAGAGAAAACCGATGACACCCACGCTGCCACTGCCAACAAGATTAAGGTTATTT
ACTGCACAAGTTTGAGCTGGAGCGCGGATGGGAGCACATTGTTTGGTGGTTACACAGATGGGGTGTCAGA
GTTTGGGGAATTGGTCGTTACTAGAAATATCCATTATGATTATTTGCAGACGCACTTTTTTGTCTATTTTGAG
AAGAAGAACTTGTTAAACCTTAATCCTTACAAGTATCAGTGTTTAGAATTTTCTTATAGGTTTGTGCGAGT
GATGAATGAATCATTTGGTTTTAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTCAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTTT
CCCCTAAGGGGGTCTAAATTCCCCCCCCCCCCGGGGCCCCTTTTTTAAACCCCCGGGGGGGAAAACCCCGGGG
TTTCCCAATTTATCCCCTTGGGAAAATCCCCCTTTCCCCAGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCAT
TCCCCTTCCCAATTTTCCCCCCCCGAAAGGGAAAAGGGACCCCCCTGGAACGGCCCCCTTAAACGGGGGG
GGGGGGGGGTTTCCCCAACTGGGCCCTAACTTTTGCCGCGCCCTAACCCCCCTCTTTTCTTTTTTCTT
TCTTTTCGCCCGTGTTCGGGTTTTTCCC

>trans_s_12188EF672645|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 19 (FLA19)
mRNA, complete cds

GACTTTGCACCATTTCTCAGAAATTCAAACCTCTCTCTCTCCCGATTGATAATGCTGCTGCAACTCTGCCGCGGC
GCCGCCGCCGGGTCTTTTGTCTCGCGTTCTATTCTCGTCATCTCCACCGCTACGGCTCACACATTACTAAG
CTTCTAGAGAAGCACCCGGAGTTCTCACTTTCAACCACTATTTGACCACCACTCACCTTGCGCCGGAGATTAA
CCGGAGAACCACCACTACTGTTTGCCTCGTCGACAACCTCCGCCATGTCTGATCTCTTGGCCAAACAACCTCTCCA
TTTACCCTATCAAGAACACTCTCTCACTCCATGTCCTCCTCGACTACTTCGGAGCCAAGAAGCTGCACCAGATC
ACTAATGGAAGTCTCTGCTGCCACTATGTTTCAAGCTACTGGCTCTGCTCCTGGTTCTTCCGGTTTCGTCAAT
AATACTGACCTCAAGGGCGGTAAGGTAGGGTTTGGCCTTCAAGGATAGTGACGACATTGATGCGATGTTTGTG
AAATCTGTGGAAGAGGTTCCGTATAATATCTCTATCATTAGATCAGTAAGATCTTGCCGTCTCAAGTGCGG
AAGCTCCAACCTCCGTCTCCTAGTGAGATGAATTTAACCGGAATAATGTCTGCTCACGGTTGCAAGGTTTTTGGC
GAACTCTTCAAGCCTCTGACGCTGTGAAGACGTTTCAAGGAAAATGCAATCGGTGGATTGACGGTTTTCTGTC
CTCTAGATGACGTTTTCAAGGCGTTTTTGCCTAAGTACAAGAACTTACTGACGCTGGAAAGATCTCCTTGCTT
GAATACCACGGTTTGCCTGTGTATAATTCTATGTCCATGCTTAAGTCTAACAAATGGCGTCACGAACACCTTGGC

CACTGACGGTGCTAACAAGTACGATTTCTGTCGTACAAAACGACGGCGAAGTGGTTACTCTCCAGACGAAAGTC
GTAACCGCCAAAATCACCGGCACGCTTCTCGACGAGCAACCAAGTGGCTATCTACACAATCGACAAAGTTTTGA
AGCCGAGAGAACTCTTCAAAAAGGAGATTCCGGCTCCGGCACCGGCACCAGCGCCTGAGACAGAAAAACCTG
CCGACGCTCCCAAGGCTCATTCTCATCGGCACAAGGGCGCCGCGACTCCTGAAGCAGACTCACCGGCAGATTC
TCCGTCCGACGAAGATCCAGCAGATCAGACGACGGATGGTAATGGCGCGGTGAGGCTCAACGGATGGAGAT
TTGTTTTGGCTGGAACCTCAGGTTTGGCAGCGCTTCTTCTACTGTAAGGTCGTCTTCTCTACATTTGCGCGGCC
TAGTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTCTTTAATTTAATTTTACTTTTTTTTTCTTTGGACTTGAAT
AATTTCTTTGTTTCTTTTTTTGTTCCGAAAATATTGAAATTGGTTGTAGTACATTGCTGTCCTCATCTGTCGTC
TCCAAGGGGTGTTATTTATTTATTTTTATTTTTCTTTTTTGGAGAAAGAGAATTTCTACGGCTGTGATTTGGT
TTCAACTTTCAAGGGTGGAAGTTAAATATTGTTGTTGTTGTTGCTAATCGCTTAATTAATTAATGTAATTTGA
TGTGATAATTGTGATTTTATAATGATAAGCAACGTCGTTTTCTGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_12189BT010538|Arabidopsis thaliana At3g62220 gene, complete cds

AGGAAGGGAGAAAAAAAAAGGCAATAAAGTCACCTTTGATAAAGGATAGAAATAAAACAAATAGAACAAAT
TGAGAAATTTAGAGAACAAAATAGGCATTAGGCAGCGCAATCTTCGCCGGCTCCGGAGCTCAGATCACGAAG
TGCCTGAACGGCGATACACAGTCTTCTTACAGTTTTTTCACACTCCAATTGAAGCTTTCAGCTCTTAAAGTTTG
TCGGATTGCTCTGTTTTCTGTTAGGGGATCGATTAGTGGGAAAAGATGAGCTGCTTTAGCTGCTGTGAAGAA
GATGAAATTCAGAAGGCAGCTGACAATGGACACATGTATGCAGGAAAACAAAATACAGGAAACAATGGGGG
TTATCATAAACCCGAAGCTGCACCAGCAGTCACTCAAGCTGTCAAAATGCAACCAATATTAGTTCCTACCATAC
CCATTGAAGAACTATCAGAAGTAACGGATAACTTTGGAAATGAAGCTTTGATTGGAGAGGGTTCATATGGGA
GAGTATACTATGGGATGCTTAAAAATGGGCAGCCTGCAGCGATCAAGAAGTTAGACGCCAGCAAACAGCCGG
ATGATGAATTTTTAGCACAGGTCTCCATGGTCTCGAGGCTGAAGCATGGAAATTTGTTCAACTGCTTGGTTAT
TGCGTTGATGGGAGTTCCCGCATACTAGTATACGAGTATGCTTCTAATGGATCACTTCATGATATTCTTCATGG
AAGAAAAGGAGTGAAAGGAGCACAACCAGGTCCCGTTCTATCATGGGCAAAACGTGTGAAAATTGCTGTAGG
GGCCGCCAGAGGACTCGAGTATTTGCATGAAAAGGCTGAGTCCCACATTATCCATCGTGATATTAAGTCCAGC
AATGTACTGATCTTTGATGATGATGTTGCTAAAATTGCTGACTTCGATTTGTCCAATCAAGCTCCTGATATGGC
AGCACGTCTTCACTCTACCCGTGTTCTTGGAACCTTTGGTTATCATGCTCCTGAATATGCTATGACTGGCCAATT
GAATGCCAAGAGTGATGTTTATAGCTTTGGTGTAGTCTTGCTTGAACCTCTGACAGGGAGAAAACCTGTAGAT
CCTACGCTACCACGAGGACAACAAAGTCTAGTTACTTGGGCTACACCAAAGCTGAGTGAAGATAAAGTTAGG
CAGTGTGTCGATGCAAGGCTTGGTGGAGACTTCCCCCAAAGGCTGTAGCAAAGTTAGCAGCTGTTGCTGCCT
TGTGTGTGCAGTATGAGGCAGATTTCCGGCCAAACATGAGCATTGTTGTCAAAGCTCTCCAGCATCTATTAAT
GCCCCACCTGGGCGTCTGGTGATGCATCAAACCTCGTAAGTTCTATTCATCTCATTCACTGTATCAATTTGCAT
ACAAGCGTATAAGAAAGAAATTGTATCTGAAGAAATTAAGTTAGTGAATTGTTTGGATATTTTTTAAATATGT
TTCTCTTAATTTACGTTTTATAAGTCATCTGTATCAAATCACGGCTCCCATGTCGAAATGTTTCAGTGTATTCTAT
TTTCTTTTAATATCTGGTTAGTTTGTGGAATGTAATATTGTTTAGTTGTAAGCATTGCTAGAGGGAGTTAATGT
ATATAAAGACTATTCTGTCTCAGTTAAATAATATTGAATTTTCATTTCTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12190NM_106416|Arabidopsis thaliana aminotransferase class I and II family protein
(AT1G77670) mRNA, complete cds

ATGGAACCACACATGTCCGGCTAAATCAAAGGGAGTCCATTTTCTGGCCAGCGATTGACGCAGCCCCTAGCT
AGCGAGCGTTGAACTCAGCAGCTCTTGCGAAAGGAAATTCCAAAATTTCTAATGCGGATGCACTGCACCTGGA
CCCTCAACCGCTTCAATTCAGACCTTCGTTTTGTCTAGATGTACTAATATTACCCAAAACCAAGCTCTATTC

GCTCTTCTGTTCTGGCCACCATGTCCACTGTTTCCACTGAAACCGCCGTCGCTTCCGAGCAGAATGGATCGACC
AACGACGCTCAGAAGCCATTGCAGGTTTCAAACCGGCTGGAAAAGTTCAAAACAACCATTTTCTACTAGAATGA
GTAACCTGGCAATTCAATATGGGGGAATAAACCTTGGCCAAGGCTTCCCAAACCTTGATGGTCCCGAATTTGT
GAAGGAAGCAGCAATTCAAGCCATCAAAGATGGTAAAAATCAATATGCTCGTGGATGTGGAGTGCCAGACTT
AAACTTGGCCATTTCTGAGAGATTCAAGAAAGATACTGGACTTGTGTCGACCCAGAGAAGGAAGTTACAGTT
ACCTCTGGGTGCACCGAAGCAATTGCCGCAACTATGCTTGGCTTAATAAATCCTGGCGACGAGGTGATCCTTT
TTGCTCCTTTTATGACTCTTATGAAGCCACTCTATCAATGGCTGGTGCAAAAATCAAGTGCATCACACTACGCC
CACCAGATTTTCTCTCCCTATAAATGAGCTCAGGTCAGCAATCTCAAAGGATACTCGTGCTGTTCTTATTAACA
CACCACATAACCCAACGGGAAAAATGTTCAAGGGATGAACTTAATGAGATTGCCTCTCTCTGCATTGAGAA
CGATGTGCTAGTTTTTGTGATGAAGTTTATGACAAATTATCTTTGAAATGGACCACATTTCCATTGCTTCTCT
TCCGGGAATGTTTGAGCGCACTGTCACCATGAATTCGTTAGGGAAAACATTCTCCCTCACTGGTTGGAAGATA
GGTTGGGCAATCGCCCCGCCTCATTTGACATGGGGGGTGCGACAAGCACACGCTTTCCTTACATTTGCTACTTC
CACACCAATGCAGTCAGCTGCTGCTACAGCTCTCCGAGCACCCGAATCTTACTATGAGGAGCTGAAGAAAGAT
TACCTATCAAAGAAAGCCATTTTGGAAGAGGGTCTGAAGGCAGTTGGTTTCAAGGTCTTTCATCAAGTGGA
CCTACTTTATTATTGTCGATCACACCCCTTTTGGGTTGAAGAATGACGTCGACTTTTGCAGTATCTGATCAAA
GAAGTTGGAGTCGTTGCTATTCCAACCAAGTGTTTTCTACCTTAACCCAGAAGATGGGAAAAATCTTGTTAGATT
TACATTCTGCAAAGATGAGAACACTCTCAGGGCCGCTGTAGATAGGATGAAGGAGAAGCTAATTAGGAAGTC
ATGATTGCTGAGAGCCTAGTTTCTCAAAGATCCATGCTTCCATTTTCTGTTTCCCCTGGTACTTTGGAGTTCAA
TTTATTGCATCAATGAATAGAAAATTCTAGTGGAATAATTCCAAAGACACTGTTACTAATAATTGTTTTAAAG
CTACAACATTGGGTCTCTATCGGGTGAATTTCAAATCATATAATTAATTTGGAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12191HM122708|Malus x domestica TLP domain class transcription factor (TLP7) mRNA,
complete cds

AATATGATTTTTTACGTCAATCTTCTTCTTCTTCTCCTCACTGTTTGAATATTGATTAAGAAGCCTCAACAG
GATCCATCAATTTCTGAAGCCCAACAAACAAATCTCCTGTTCTGCTGATTTTCCCCGAAAGGATTGATATGCCA
AACAAATATGTCATTCAAAGCTTTTTTTCGCGAGCTAAGGGAAATGAAAAATGGGATTAGAATCAGACCGAA
GCGAGGGGGGAGAAGGGAGGAATTGGCGAAGTCGTTCAAGGGCACATATTGCACCTGATGAGGTGCCTCCTC
AACCTGAAGTAATACAACAAGGGCAGTGGGCAAATTTGCCTCCTGAGTTGCTTTTGGACATAATTGAAGAGT
TGAAGAGAGTGAAACGTCGTGGCCTGCTAGGACTGTTGTTCTTTCTGTGCTTCAGTTTGCAAGTCATGGAGA
AAAATTACACAGGAAATTGCTAAACTCCTGAGCAGTGTGGGAGGCTCACGTTTCCATTTTCGTTAAACAGC
CGGGACCTCGAGACTCTCAATTCAATGCTATGTTAGAAGGCATAGAGCAACTTCAACCTATCTTCTATACTCC
GGATTGGTGCCTTCGGAGAATGAAGGTGATAAACTCTTATTAGCAGCCAAGAGAATAAGAAGGGCTACGGGT
ACAGATTTTGTTATATCTTTGGTAGCTGATGATTTTTCTTGGGCTTGCAGTACCTATGTGGGTAAATTAAGGTC
CAACTTTTTTGGCTCAAGATTACCATGTATGATAGTCAACCACCAGTTCTCACTGCAGGACGACAGAGCAATC
AATCAAATCGAAGGTTTCATGCCAAGCAAGTCTCTCCACCAATGTCAGCTTGCAACTACTCTATAGGGTCAGTC
TCTTATGAGCTTAACATTCTACGAAGTAGAGGACCACGAAGAATGCGCTGTGTATGCAGTCAATCCCTGCATC
TTGCATTCAACAGGGAGGAAATGCACCGACACCAACCTCATTCTCGTCTGCCTCAATGACCATCATCACCACC
CACCTTTACCGACTTCTAAAGGAAAGAAGTCAGACATAGATTTCCGTTCCACAAGTATCACTGAGCCACCAGTT
CAAGAATTGGGAGAATCTTTGGTTCTCAAGAACAAGGCTCCCAGATGGCATGAACAGCTCCAATGCTGGTGCT
TGAACCTCAGAGGGCGTGTGACAGTGGCTTCTGTAAAAAATTTCCAACCTCGTGGCCGATGTGCATCCGGCCCT
TGATGTGTCAGTTGAAGAACAAGAGAAGATAATATTGCAGTTTGAAAAAATTGGAAAGGACATCTTCACGAT
GGATTATCGCTACCCGCTCTCTGCTTTCCAAGCCTTTGCGATCTGCTTAAGCAGCTTTGACACCAAACCAGCCT
GTGAATAGTAATACATCCAATTCTCAGTGATTGAGAAAGTTAAAGAGTTTCAGCCCATGAACCTTGATTGTTTCT
TACAAAACCTCCGTCTCTTTACTTTGAAGCCTTTTCAACTGGAAGGTAAAGCATTGCACAGCCATTCCACAGTCC

AGGGTTATGGAGCTGAACTTGATGTATGCGTTTCTCACATCTGTTGATCTGAGATTGTTTTAAATTTACCAT
CTCCTTGTTAATGGAACTTCACCTTCTCATCTATATCAATCCATGTTGTTCTATAGGCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12192NM_001056390|Oryza sativa Japonica Group Os03g0300200 (Os03g0300200)
mRNA, complete cds

AACCGCTTCTTCTCAAGTGAGCGCGGCCGACCCCCCACTCTCCGTTCACTGCCACCGTAGCCTCGCCACCGT
TCAATCAGTTTGCAGCCGTATTCAGTCGCTGGTCACCGCCTGCAGGTCCACTACCCACGACGTCGAGGTTGA
CGTGAACCAGCAGCCCAACAACGCTGATTTTCTTGGCCATTTGTTGGAACGTTATACAGGAAGGTTTGGCTT
GTGATTGATGAACTTTGTTTCTGAGGTTGAGGCTGACAATATGGAAGAGATTGGTGCGGTGGAATCCATGG
ATAAACTTAGTAGCCTTCGTATCACCTCTTTAGATGATGATGATGAAGAATTGCAAGATGACTATGACACTGAT
GAGGATGAAGAAATGAATGAATCAGTGGTTTTGGGTCTCGTTACGAACCCCAAAAATTCGTGGTCTCTTCTTC
CCCAGCTATTTCCAAGCAAGGCTGGAGGAGTACCGGCTTGGTTGGATCCAGTGAATTTGCCGTCTGGAAGGTG
TTGCCTTTGTGATATATGTGGAGAGCCTTTCAGTTTTTAATTCACATTTATGCTCCTATTGTGGAGAAGGACTC
AACATTTTCATCGAACATTATTTGTGTTTATGTGTCCATCCATGACTTGTCTTCTACGAGATCAACATGAGCAGTG
GAAAAGCAAGTCTGAGAAGTCATCTCGTAGTGTGAAGGTTTTCCGCAGTCAATTACCCCGTAATAATCCCTTTT
ACTCGAGTGAACCTCCAAAACATGATGGGAGTGACAACTCTGTCAATCTGGAGTTGCACGTTGTACCTGGTG
CGGTACTTGGAAGGAGACAAAGTTTGTAGCAAGTGTAGAACAGCACGCTATTGTTCTGAGAAACATCAGGC
TACTCATTGGCGTACTGGCCATAAACTGATTGCCAACGAATGTGCATGTCTTCTCAGTTATCAAGTTCTAAAC
TGACTAATGATCATCACGAAACAGATATTGAGAAAGTTTCAAGCAAGCATCTTGGCCTGAATTTGAGATTAT
GCATGAATACGAAAGTGAGTTCGACATTGAAATATCTCAAGACAATTCTTATGCAAATGCTTTGGTTTGTAAAG
GATAGGATGGATGACTCGATGAAGTCATTGTTGGCCAAATTTGAGGGAGACGATGATAGAAAGTCTTGGGCT
TCTTTTCAAGCTCGAATATCAAAGGCACCTGAACAAGTGTTGAGATATTGTAGAGATGTGGGATCTAAACCTTT
ATGGCCAACTTCAAGCGGTCTGCCTCCGAAGCAGACATCCAAAATGCAATTACTGCAGCGGTCCCATGTGT
TATGAATTTAGATCTTGCCTCAATTGCTTTATTATTTCGGGGTAAAGAATGATGTGGACTCACTCGATTGGGC
CACAATTGTTGTGTATACATGTGAAGCCTCCTGCGAGTCCAGCGTAGCTTATAAAGAGGAGTTTGCTTGGGTT
CAACTCTCTGTCCCATCAGCTGGTCACCAAGTAATATTTTTGCCAGTTTTGCTCTTCAGCAATTCTAATGCCATA
TGATGAGTATGTTTTTGTACTCTTCCAATATTTCTCAGAATGTTAAATTATAGAAATCATCTATTTTCTGCCT
CATCTTTTTTTTCTGTATTCTATAAATCTTGCCTTATCATAATTATTACATCTTTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_12193HM122647|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR4)
mRNA, complete cds

AACATTATTTATTGTATTCCCTCTCGACTCAAATCCGAAAGACGGTTTGTATTATAAACACATTCTATAGTCG
AACCCAACTCCACCATACAAAAACCGAAACCTCCAGACCTCAGAGTTTGACGAATTCAGTCCAACAACACTG
AGGTTTGATCCTCAATTCACCATTTCTTTCAGGATTTTCATGGTTTTTTGGTGTCTGTCAATCATAATCCTCATTC
TACTTGAGGATTTTACTCCGATTCGATGAAGATGAGCCATTTTCCCGGTATTGATTCTGTTCAAACCTCCGACTCC
TTCATAAGAACTGCTGCTCTACCTACTTCGACTTCTAATTCTGTTGCTGCCTTCACGGTTTCGGAGGATGCGA
GTAAGAAGATTGAAAGCCTTATACAATTACCAAGTCGAGAGAGAGTGGACGGAACAAGAGCACGATAAGT
TTCTTGAAGCTCTTCAATTATTTGATCGTGACTGGAAGAAGATTGAAGCATTTGTTGGCTCAAAAACAGTTATC
CAGATTCGCAGTGCTGCTCAAAAATATTTCTAAAGATTCAAAAAGTGGGAAAAGTGAGCATGTACCTCCTC
CTCGACCAAAGAAGAAAGCATCTCATCCATACCCACAAAAGGCTCCTAAGAATGCGACCACTCAGCATCCTGG
GATGTATCAACCCCTATCTTCTCCATTGCAACCAAGATATATTTACATTCCAGACTCAGCAGCAGGGTTTGGAC
TTCCTAGTCAAATGCTACCTTCTTCTTGGAGCTGTAGCCCTGTGCCGACTATTGATGTGTCACAAGTACCCA

AAGTAGGTGGACCAACATTGGCACATAGTAGCAGTAGTGAGAGCACTCCACGGACATGGAAACTTGGAGAA
ATTTCTGACCAAGGAAATCAGAGCATGCGAAACAGAGTTATGCCGGATTTTGTCAAGTTTATAGCTTCATCG
GCAGTGATTTGATCCCACTGTCTCGGGTCATATTCAGAGACTAAGAAAGATGGACCAATAAATCTAGAGAC
GGCTCTGCTTTTAAATGCAAAATCTTGCCGTCAACTTGATCAGTCCAGAATTCGAAGACCACAGAAAACCTGATT
CATCATATGATGAAGACATGAAGAAGGCCAAATCTGGTAGCCTCTTTAACAGTCTACACAACGTCAGATCAGA
CAATACCATTCTATCAGCTTAGAGAATAATAAGGGGCGAAAAACCTTTGCGCAGTCCGAGCATTGTTCTGATT
TAATATATTCTTTCAAGTTGCGCTAATCCATCAAAAACCTAACGATATCAGATGAACTATATGTCAGGTTGGTT
GAGAAGTTGATATTGTTGCATATAATGGAGGTGGGCTCAATAATACATTATGTGGAGATATGTCGAGCTAGTC
GCACTAGTGGGCGTTCTGAATGTATCCCCTGTAAATGAGTATGAAGTACTTGATGATAAACGTATGCAGTG
TAGATAGAGTGATTCTACTCTACTTCATGCCCCGCGGGTTCGAGATCAGTGTATAGAGGTTTGAGTACGTAAG
GGGCTGTATTTGGGGTTTGTGTAAATATTAGTTTAGTTAGTTGGGTGTATTGTATATTTTATATTATGAACAAA
ACGATAATTTCTACATAAGGTTGGATCATGAAGTGAGATCGTATTTGTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_12194FJ604857|Vitis vinifera strain DHQS01 3-dehydroquinate synthase mRNA, complete cds

ACAATGCCTCATTTCTCCACCAACTCCTCCATTCTCCGCCGCCGACCCATTCCGCCGCCGTAATTCTCTCTAG
CACCACCCACACAATCCCATTTCATGGCCACTCTCCCAATTCTCTCTGCCTCTCTCCCGCCTCCGACCTTATCGTC
AAATCCCCACTCTTCAAATCCTCCTCCGTCGGCTGCTTTTTCCCGATCTGCAGTCGCAGTTCTGTCCATCTCCGG
TGTTCTGCAACTGGGGTTGAGTTCAATCGAAATGGGTTTTCTGGGTTGAGTTCGAGGTCGTCGAGAGGGAAG
ATTTTTGCGAGTTCTGCTCAGATTATGGATCAGTCGGCGATTAAACAGATTCCTCTGCTCCCACGATTGTGGA
AGTGGATTGGGTGACCGGAGTTATCCGATTTATATTGGATCCGGCCTTCTCGATCAGCCTGAGATTCTTCAGA
GGCATGTTTCATGGGAAGAGAGTTCTTATAGTCACCAATGATACTGTTGCACCATTGTATTTAGATAAAGTTACT
GAAGCTTTAACTATTGGGAATCCAAATGTTTCAGTTGAAAGTGTGGTTTTACCAGATGGTGAGAAGTACAAGG
ATATGGACACACTCATGAAAGTCTTTGACAAGGCTATCGAGTCACGGCTTGATCGGCGATGCACATTTCGTGGC
CCTTGGAGGTGGTGTCAATTGGTGATATGTGTGGTTATGCTGCTGCTTCTTCTTAGAGGCGTTAACTTCATTC
AGATTCCCACGACTGTTATGGCACAAGTGGAATCTTCAGTTGGGGGAAAGACCGGTATAAATCACCGTCTGG
GGAAGAAGTTGATTGGCGCATTTTATCAACCTCAATGTGTTGTTGTAGATACAGATACATTAAACACCCCTACCT
GATAGGGAAGTGGCTTCTGGGTTTTCGGAGGTCATTAAGTATGGTCTTATTAGGGATGCCGAGTTTTTCGAAT
GGCAGGAGAAAAATATGCCTTCATTAATGGCAAGGGATCCAGCTGCCTTAGCTTATGCGATTAAACGTTTCGTG
TGAGAACAAGGCCGAGGTTGTATCATTGGATGAGAAGGAAAGTGGACTACGGGCAACTCTGAACTTAGGCC
ACACATTTCGGACACGCAATAGAAACTGGGTTCGGGTATGGTCAGTGGCTCCATGGAGAAGCTGTTGCAGTTG
GCACGGTGATGGCAGTCAACATGTCATACCGTCTTGGATGGATTGATGATACGATTGTAAGCAGAGTTCTCGC
CATCTAAACAGGCTAAGTTGCCTACTGCACCTCCTGAAAGCATGACGGGTGGAAATGTTCAAATCTATAAT
GGCGGTGACAAGAAGGTTGCTGATGGGCTACTAAGGCTAATTCTCTTGAAAGGTCCTCTAGGAAACTGTGTT
TTCACGGGCGATTATGACAGAAAGGCATTGGACGAGACGCTTCGTTCATTTTGCAAGTCTTGAATTTTTTAAGA
TGTAAGAGAGATCATTTCCAAGCTGTGTGTAAGTTCTGTACCATATGGTTTATGATATTGCTCTGGCTCTTCCTC
TCCCCACCCCCCTAGCTTTAGTCTTCATTATATTATTAGAAAATCCAAGCGATGAGTGATTCTAATCTGGTAA
TGCTATGATCCTTAACACAAGATCCACCATTCCACGGTGTGTTGAATCACTACTGAGATAAATAAAGTTCCAT
CTTGATCT

>trans_s_12195DQ174251|Gossypium hirsutum translation elongation factor 1A-2 (EF1A2) mRNA, complete cds

CGGGGGCCTCGCTGCTTGTCTCCTGCGTTAAATTTAGGCTGCTTCTTTCTTTTGATTTCTCTGCAAATTCTTGTGG
TTCGATTAATACCAAATGGGTAAGGAAAAGACTCATATCAACATCGTGGTTATTGGCCATGTCTGACTCTGGGA
AGTCGACCACCACTGGTCATCTTATCTACAAGCTTGGAGGAATTGACAAGCGTGTGATTGAGAGATTGAGAA
GGAAGCCGCTGAGATGAACAAGAGGTCATTCAAGTATGCTTGGGTGCTCGACAACTTAAGGCGGAGCGTG
AACGTGGTATTACCATTGACATTGCCCTGTGGAAGTTTGAAGACCACCAAGTACTACTGCACAGTCATCGATGCT
CCCGGACATCGTGACTTTATCAAGAACATGATTACTGGAACCTCACAGGCTGACTGTGCTGTCCTCATTATTGA
CTCCACCACTGGTGGTTTTGAGGCTGGTATTTCTAAGGATGGTCAGACTCGTGAGCATGCTCTTCTCGCTTTCA
CCCTTGGTGTCAAGCAAATGATCTGCTGCTGCAACAAGATGGATGCCACCACTCCCAAATACTCCAAGGCAAG
GTACGATGAAATCGTGAAGGAAGTCTCATCTTACCTCAAGAAGGTGCGATACAACCCAGACAAAATCCCCTTC
GTTCCAATCTCTGGTTTCGAGGGTGACAACATGATTGAGAGGTCCACCAACCTTGACTGGTACAAGGGACCAA
CCCTTCTTGAGGCTCTTGACTTGATCTCTGAGCCCAAGAGGCCCTCAGACAAGCCCCTCCGTCTCCCACTTCAG
GACGTTTACAAGATTGGTGGTATTGGAAGTGTCCCTGTTGGACGTGTTGAACTGGTATCCTCAAGCCTGGTA
TGGTTGTTACGTTTCGGACCAACTGGACTGACCACTGAAGTTAAGTCTGTTGAAATGCACCACGAGTCTCTCCCA
GAAGCTTTGCCCCGGTGACAATGTTGGATTCAACGTCAAGAAGCTTGCTGTCAAGGATCTCAAGCGTGGTTTTG
TTGCCTCGAACTCCAAGGACGACCCTGCCAAGGAAGTGCCAACCTTCACATCTCAGGTTATCATCATGAACCAC
CCCGGTCAGATCGGTAATGGTTATGCTCCAGTCCTTGATTGCCACACCTCCACATTGCTGTTAAGTTCGCTGA
GATCCTCACCAAAATCGATCGTCGATCTGGTAAGGAGCTTGAGAAGGAGCCCAAGTTCTTGAAGAATGGAGA
TGCCGGTATGGTTAAGATGGTTCCAACCAAGCCCATGGTTGTGGAGACCTTCTCTTCATACCCACCATTGGGTC
GTTTTGCTGTTCTGATATGCGTCAAACCGTTGCTGTTGGTGTATCAAGAGTGTGGAGAAGAAGGACCCAAC
AGGAGCCAAGGTCACCAAGTCCGCCGTGAAGAAGAAATAAGTGATCAAAGCCTGCAAAATGTGTCATTGAGA
AAACATGGTTTTAATATGCAAAATATGAGACTTTTGGTTTTTGGTACTCTTAGTAGTTCTTATTTATTTAGTTTAC
ATGTCTGGTTTTGTGTTTTTCTCTTTTAAATTTGGTATGCTGTTTTTGAAGTCAATTTGAGACATTAAATTGTTG
GATACTGCTGAGGGTTAAATGTTTTTAACTAAGTTTTAATTTCTTCTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_12196AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ACCGGCAGCCTCTAAACAATGCAAAAAAATGCATGTTGGGTCTTTGAAACAGTTCAAATCATTTTGATAATAAT
AAGTTTGATCTGTTTTACCGAGAAGGTCTACGGTTCGAGTCCACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTTCAGACG
ACTTAACGCATATCACTTTGCGGGTACTGTTGACAGTGTAGGGCTAGTTGATGTCAACGAAAACCACCGGTTT
CGCTTGGTGGGCCGGGAATGCCCCGACTTATCAATTTATCCGGTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCC
GGATTAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTCGTACCGGAGAAGCCCATGT
ATGAACAAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTTTAGGTTGGGGGGTAGGTTTTGGTGGGGAAGTTAT
AGACACCTTTCCTTATTTTGTGTCTGGAGTACTTCACTTAATTTCTCCGAGTATTGGGTTTTGGCGGTATTTA
TCATGCACTTCTGGGACCCGAGACCCTGAAGAATCTTTCCATTCTTCGGTTATGTTTGAAAGATAGAAATA
AAATGACTACCATTTTGGGTATTCACTTAATTTGTTAGGTATAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAAGCTCTTTA
TTTTGGGGGTGTATATGATACCTGGGCCCCGGGGGGGGGAGATGTAAGAAAAATTACCAACTTGACCCTTAG
CCCAAGTGTTATATTTGGTTATTTACTAAAATCTCTTTTGGCGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATT
TGGAAGATATAGTTGGGGGACATGTATGGTTAGGTTCCATTTGTATACTTGGTGGAAATTTGGCATATCTTAAC
TAAACCTTTGCATGGGCTCGCCGCGCACTTGTATGGTCTGGAGAAGCTTACTTGCTTATAGTTTAGGTGCTT
TATCTGTTTTTGGTTTTATTGCTTGTGTTTTGTCTGGTTCAATAATACTGCTTATCCGAGTGAGTTTTACGGGCC
GACTGGACCAGAAGCTTCTCAAGCTCAAGCATTTACTTTTCTAGTTAGAGACCAACGTCTTGGAGCTAACGTTG
GATCCGCTCAAGGACCTACTGGTTTAGGTAAATATCTAATGCGTTCTCCGACTGGAGAAGTCATTTTGGGGG
AGAGACTATGCGTTTTTGGGATCTGCGTGCTCCTTGGTTAGAACCACTAAGGGGTCCTAATGGTTTGGACTTG
AGTAGACTGAAAAAGACATCCAACCTTGGAAGAACGACGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCTCCTTTAG
GTTCTTTAAATTCGTTGGGGGGCGTAGCTACCGAACGGCCACGTGAGTTATATGTCTCTCCTAGAAGTTGGTT

AGCTACCTCTCATTTTGTCTAGGATTCTTCCTATTTCGTAGGTCATTTATGGCATGCAGGAAGGGCTCGTGCAG
CTGCCGCAGGATTTGAAAAAGGAATTGATCGTGATTTTGAACTGTTCTGTTTCATGACTCCTCTTAACTGAGAC
AGGCGATCTAATGCTTGAAGTCAAAATCAATTGGATTCCACCATACATATCAGGTTGGACAGATCGGGTTATA
CTCATAACCGCATCAGGTCTCCAAGGTGAACAGCCTCTGGTCGATGGAACAATGTAGGCAAGGGAAGTCGGC
AAAATG

>trans_s_12197NM_100521|Arabidopsis thaliana ATPS7; alpha,alpha-trehalose-phosphate
synthase (UDP-forming)/ transferase, transferring glycosyl groups / trehalose-phosphat> (ATPS7)
mRNA, complete cds

TTGGCCTTTGGTTTCAGGGTTGTAGCACTCGATCCTAACTTTAGAAAGCTATCTATTGATGCCATTGTAGCTGC
ATATTCGAGGTCTAAAAGGAGGGCTATACTTTTGGATTATGATGGCACTGTCATGCCGCAAACCTCAATTGAT
AAGACCCCAAGTCGTCAGGTGATTTCAATCATAGATTCACTGTGTGATGATGTTAGGAATACTGTTTTTGTGT
CAGTGGAAGAGGGCGTGAAAGTTTGGGCAATTGGTTCTTCTTTCGCGATAAGCTTGGAATTGCTGCCGAGCA
TGGCTATTTTATGAGGTGGTCTGCTGATAAGGACTGGGAAAATTGTGGTCAAGGTAGTGATTTTGGCTGGATA
CAGATTGCAGAGCCAGTCATGAAATTATATACAGAAGCTACTGATGGCTCTTCTATTGAAACCAAAGAAAGTG
CCTTGGTGTGGCATCACCAGGATGCAGACCCTGATTTTGGTTGCAGCCAGGCGAAAGAATTATTGGATCACCT
TGAAAGTGTGCTGGCAAATGAACCAGTTGCTGTAAAAAGTGGTCAGTTTATTGTAGAAGTGAAGCCACAGGG
AGTCAGTAAAGTTTGGTGGCAGAAAAGATCTTCACGTCAATGGCAGAAGCAGGAAGACGGGCTGATTTTGT
GCTATGCATTGGTGATGACAGATCTGATGAAGACATGTTTGAGATAATTGGTAATGCAGTGTCAAGTGGCTCC
CTCTCTCCAATACATTAGTTTTGCCTGCACGGTTGGACAGAAACCAAGCAAGGCCAAGTATTACTTAGATGA
CACAACCGAGGTCATTAATATGCTTGAAGCCCTGCAGAAGTTTCGGACATATCTTCTCCTCTGAATCCCCTT
GACAGTTCTTCTGCATGGCAGTGTTATAACATGCTCCTGTCTCTTCTCCGACCTTTTAAGCAAGTGACGCTGGC
TGGTGATTAGTATCAAATCACATTCATTTTCTGCTCTTGTTGAAAGTTAATTAATGTGCAGCAAAATGGAATG
GCCTAATTTGAACCGTCAGCGTCTTGGATTCTTTACGATATATACAAGTGGATGCAAAAGTATGAAATGGGG
GAAAAGCATTCAATCATTCTTGGCATTAGGGGACCCGAATGGGGGTGGAATGAAATGGTACTAATATGGACA
GACTGACTTGGGGGGATGTCGCGGAAACAACAGAGAGGAAGATGGCCGAATGATTTGTGAATAATCTTTGA
GGCCAGCCATTGGTATTTCCACGCTCGTTTGAAGTTGGTAGTCCCGAGTATCTATTCTTTTGATTCATGAATCT
TTTTGGGTGGTGGGATGATCAAAGTCCAAGTAGAAAGTTAGAAAAGAAGCCTGAGCTCTCGTCTGTTTTCAA
AACTGTACCAAATGGACAACAGAATGATGTCCTTTGTCTCCTTTTCTTGCTCATTTTCATTTTCTTTTCTCGTCA
AATCTTGAGTGCATTTGTTTTCTATTGTTACTTGAACCGTTTTATTTTGTCTACAAGAAATCTGTAAATTTCC
TATATTAATCTATTTTGTAGACTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAGATAAAATCTAAAAACGAAAAAAAAATATACCCTTTGC
AACATTTGTGA

>trans_s_12198AJ414165|Nicotiana tabacum ORF1, ORF2 and partial ORF3, pararetrovirus-like
sequence, V2

GATGTATCCCAATGTGCCGCCATATTACTGAGGTTATGATGCTTGTGGGCGCAGATGCTTTATGTGCTCTGGT
GATTGCGTTGATTGCAGACTGTAACCTCTGGTTTGATGAATGCATTAGCTTTGCTTGTGGCCTCTGCTGTTTAA
TGACCTTTGAGTTGTCTATTGATAATTACTTGTAGTCAAAGAGACAGTTAGAAAGTTAGATAATTTTGTACT
GTACCCAATCACTTATTTGTGCTACTTGACTTTTCTACTAGTAGTGAGTTTAGTATTTTATGAGTACTATTATTTG
CTCTGGTTATTGTAGTTTTGTCTGCTTTCTTTGCTTCAAATGCTTGGACGATCTTTTCTCTATCTTTTTCATT
TACTGGTCTCCTTTTCCCCAAGCAATTATTGCTTAGAATTTGTATTTTGATATTTGAATTTGATAGTCACTT
GTGCTCATCTTGGTTTGGGTGTATCAACCGCTATCTTGGTTTGAGTGTATCAACCTGTTTGAAGAATATTGTATT
TTCTTGGTTGTTGACTCGTTGCTCATCTGCTGGGAACTTTGAAATGGGCAGTTCTTGTGTCAATTGATTTTAT

TCCTTTCTCTCCATTATTATTGTCATACTTTTCGATCATTGTTTGTGGATGATTGATGAAAGAATTAAGAAGGA
AAAAAATCCATGGTGGTGTGTTGGCTGAACTTGGTACTGGTTAGTATGTCGATGCTGTGTGGATCCAACCTT
CTATTGTTGCTCTGCTATGTGTCTCTGTTTTGAAGAAAGTTGTTGGAGCAACAACTTTTGTGAGGCTTGGATT
GAATGTTACTTGAAGCCCTTATATGTATCTCTTATCTTTGATGGTTTGGTTTTGTTGAGCAATTGACTGTAGA
GAGAGATGCTATTTCACTTTTCAGCTGTGTGACTTTACTCTTTTAGTTGTATTGGTTGATTGAGTGCATAGTTG
AGTTGGATGGTTGGACCAAATACATGTGTGCACGGTGACAAAGGCTGATTTCATTTTGCTTTGTTATTTCTC
TGTCGTGTATTGATTAGCCCCGAAGTTGGCTTGGTTGATGGTGGGTGCCTGGCGGTGTGTTTTATGGATGACGA
TAAAATATTTGTTTCTCAATGCCCCCTTTTACTCTATATATTTGTTCAACCCCATTTAGAATCTTGACTTGTTAAC
TTTCACATTTTGTGACTGCGTTTTAGGTGCCAAATATTTTGGAAATCTAGAATTTGTAGGATGGATGTTAGAAA
CTGGCATTGTTTTAATTTGAGGTTGCAAGTGTGAAGGAGTTAGTTTGTATGAAATATTTAAAAATAATCCCAAA
TGCCCTGATGAAGAGTGTATTAGATTTATGTTTCTCACATAATATTTGGCGTTTCTGTGTTTTGTGTTTGG
TGGAATATGAAATGAGATGACACGAATGGACATCAACCCACTGGGACTGTGGAGGACTTAATATCAATCAAC
AAGACTTCAAATTAATTGCTGCTGAAATTTACAATTCCTTTCTCTATGGCATCACCTGTTGTTGAAGCTCATT
CCTCGGTTCACCCATGGCTTCTCTCTGTAATCTTATGTCTCTTCATTTTTTTTTCCCTTGAATATGAATCATAT
AATTCATTTGTTTTGTTTCATAGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12199NM_121236|Arabidopsis thaliana conserved oligomeric Golgi complex component-
related / COG complex component-related (AT5G11980) mRNA, complete cds

CTTTCACCCTTGATCGCTAAACAAGGAACCGGAGCTACTTCAGGTGGATGCGGAGCGAATTCGGAGGCAAA
TACAAGAGGTGGCAGTGGGAAACTACCGGGCTTTCATTGCCGCCGCGATGCGTTGCTTGCGATTGAGAAG
AAGTATCTTCATCGATAAGCATCTTGAATCTTGTATCTGAGATTCCAAATTTGACATCGGGTTCACAGAG
TTTATTGAGTCTGCGGAACAGATTCTGGAGGAGAGGAAGATGAACCAGATATTGCTAACAAATCACAGTACTC
TGCTTGATTTACTTGAAATTCCTCAGCTTATGGACACGTGTGTACGGAATGGAAATTACGATGAAGCTCTTGAC
TTGGAAGCATTTGTTGCAAACTTCAACGATGCACCCTAAATACCAGTTATTCAAGCACTGGTGGCAGAAG
TCAGGCGAACCACCAATCTCTCTTTCTCAACTTCTCCAAAACTCCGTTCAAATATTCAGTTACACGGAATGT
CTCCGCATCATTGGATATTTACGTCAAATTGGAGTGTTAGTGAATATGAAATGCGTTTACAGTTTTTAAGAAG
CCGAGAAGCATGGATTACTGGAATTCTCGAAGATCTTGACCAGAGAAATGCTTACGAATATTTGAAAGGAAT
GATCAATTGTCACAGGACACATCTTTTGTGAGTTGTTAATCAATATCGAGCTATATTTGCCGATGATACTCCG
GAAGTGAAGAAAATTATGACAGCGGACTTCTTTTGTGTTGTTCTATGCATAAGAGAACTTCTCATCTGAAGAC
CCTCAAGATAATGCTCCCAAAAATAACAGAAGGTGGATCTCTATCAAATATATTGGAGCAGTGCATGTACTGT
GCGATGGGGCTTGGCTGGGTAAGAATGGATTTTCGTGGTTGACTTCTCCACTTTTTGAAGAAGCAGTTTCGTA
ATTTATTTTCAAAAAATATGGCTACTGCAGTTGATAATTTTCAAGTTAGTTCTGGATACCCATCGTTGGGCTCCAC
TACCAGCTGTTGGCTTTTCGGCAAGTACTATTGGCGAGGAAAGTCAGGAAGACGTGACTCCAACCTCGAATTT
GATGGAGCATCCACCTCTGCTGTTTTTGTAAATGGTGTATCGGCAGCTATGAACGAACTCCGACATTGTGCCC
CTTTAAGCTTGAAACAAGTAATAGCTCAGGAATTAATAAAGGGCTTGCAGGCTGTTTCTGACTCTTTGTTGAGA
TACAACACAACCTCGCATGCTAAAAGATAATGAATCCGGACTTTTCTCCAGCTTTGCCGCGCATTATAGAGGT
TGCTTATCCACATTGCGCCACTTGTGTTGGCCGATGTTATCCTGGCGGTGTGACACTTATATTGGATGCAAAGA
ATTTATACGATGGCATCGGTCGTCTATTGACCGTCTCTTCTCAAGGGAACACCAAAAACAGTCAGTAACGCC
GAAGAGAAAACCATACAGAAAATGGCGATATGCCTGCGCTCGAAAATGGAGCTACATCAGATGCTGACAAG
GACCAAAAAAGCCCCTCCTTGATCAGCCATGAAAAGCAGCACAGCGAAGGTGAAGCAGAGCAAACAATTA
TTAATAGCCTATACTTGATTTGTAGCCCTCCACTTTTTCTTTGTTTTCTTTTTGGGTCTATTCTTTTAACTT
TCCT

>trans_s_12200XM_002300552|Populus trichocarpa actin related protein (ARP908), mRNA

TCCAGAGATACTCAAAGTCCCCCTTTCTTATTTTTCTGTTTGTTGAAATGGGAACTGATTTTCCATGGAATTCA
CAATTACACTTTCAATAATTTAGCTATGTAATCCATCCCTCTTCTCTTCCCCTTCCTTTCAGTTTCCCAATGGCTAT
GTTGCTCAGAAAAGTTTGGGGATCCGTCTCTACTCGGTCTCGATTGCCCTTGGAAAACTCGTCTACTGGGTTTG
AAGAGCCGTCGTTGGGTGATTTTGATCGGATTCCCGTGAAATACTGATGCAAATACTTCAATTAGCTGGCCC
TAAGACCACAGCCAAAATGGGTATGCTTTGTAAGTCTTGGAGATCTTGTCTTCTGACAATACTCTTTGGA
TTTTTTTTCTTCAAATCAATTGGAGCCTTGGGATTCTGTTTTATTGGAGAACTAGTTGGCTTCTGGATACCC
TCTTGAAACATTTTCTAGTTCGATGATGCCATTGTCATTTATGAAAGTATATAGCAAACGGGCTGAAGTGCCGG
GCTCTGTTATCATTGATGGTGGTTCTGGTTATTGCAAATTTGGTTGGAGCAAATACAATGGTCCGTCCGGGCG
TTCTGCAACATTTTTGGAATTTGGGAACATCGAATCTCCTATGTATTCTAGACTTCGGCATTTTTTGTCTACTATT
TATAGCAGGATGCGGGTCAAACATCTTCTATCCTGTGGTAGTGTCAATACCAATTTGCCATTATGATGATAC
TGAATCTGCCAAAGCATCGAGACAGCAACTCAAAGAAGCCATCTATTCTGTGTTATTTGACATGAATGTCCCTT
CTGTTTGTGCCATTAATCAGGCAACATTAGCTTTGTATGCTGCAAGAAGAACTTCGGGAATTGTTGTCAATGTT
GGGTTCCAGGTGACTTCAATTGTCCCAATTTACATGGCAAAGTAATGCGGAAAGTGGGGGTTGAAGTTGTG
GGGCTGGGAGCTTTAAAGCTTACAGGATACCTCCGAGAGCTGATGCAACAGAATAATATACATTTTGAGTCAA
TGTACACTGTTTCGTACATTGAAAGAGAATCTATGTTATGTTGCTGAAGACTACGAAGCTGAATTGACCAAAGA
TACTCAAGCTTCCTATGAAGCTGCTGAGGAAGGTTGGTTTACTCTTCCAAAGAGCGATTTCAAACCTGGAGAG
ATCTTATTTCAACCACGTATAGGAGGAGTACGAGCAATGGGGCTGCACGAGGCTGTTGCACTTTGCATGGACC
ATTGCCATGCTGCTCAACTGTCATACGATGACTCTTGGTTCAAGACTGTGGTTTTGTCAGGTGGCAGTGCTTGT
CTTCAGGACTTGCAAGAAAGGTTGCAGAAGGAACCTTATGGGCTTCTCCTTCACCATTGTCCAACGGAATCA
GAGTCATTCTCCACCATATGGTACAGACACAGCTTGGTTTGGGGCAAGGCTTATTAGCAATCTAAGTACCTTC
CCTAATCATTGGTGTATTACCAAGAAGCAATTCGACAAAAGTCAAACTCAACCTCATTTGGTGATCACCTT
CGTCTCGGGTTGTTTGTCTATATTGAAAGTCGATGCCATCATTCGAGTCTTGCCTGGCGCTCAACATATCAGT
AAAATATAAATGATAAAATAGGCTAGATAATTACTCCTTGACTAAAATAGGTCCTTGAATAAAAGTGA

>trans_s_12201NM_124707|Arabidopsis thaliana PDV1 (PLASTID DIVISION1) (PDV1) mRNA,
complete cds

CCCCAATCTCCACTCCATTCTTTCCTCCTTCTTCTTCCCTCTCTTTTCTCTCTGTTTCCCTCCATGAAATGGGACAT
GGAGATCGAGGAAATCGAGGCCGTCTCGAGAAGATTTGGGATCTTCACGACAAGCTCAGTGAAGCTATTCA
CTCAATTTCCCGAGATCACTTCTCACCTCCACCAACATCTCAGGAAATCTGACAACAACAACAACAACA
ACAAGGATTCCAACAACGCCCCCATTCCTTACCCCACTGCTGTCTTCCCTTTCATCGACGAATTTGGGTGCG
ACCTTGATGATTCTGCCATCCAGGAAGCCAGAAGTCTTAATGCCATTGCAACTGCTCTTGAGAATCTCGAAGAT
CAGCTCGAGTTCTTTCATACCGTTCAAGTGCAACAGCAGGTTGAGAGAGATGCTGCAATTGCACGACTAGAGC
AAAGTAGGATTGTTCTTGCAATGAGATTGGCTGAACATCATGGCAAGAACTATAAAGTCATCAGTGAAGCTTT
AGCGTTTGTGGAGATGTACGTTATGCCGCTAACTATGTTTCACACGAAAACAAAGATGGTCCAAAGTTTAGC
CCGAAGGGTCAGAAGCCATTGCCGAACAGTTCAAAGAGGTCTAATACTCTGATCAAGATGCTATTTTCAACCA
TCGACTTTGCTAGGAAATCTCTCAAACGGATCATGTGGGCGGGATACTTGGCAATGCTGCCATGGTTGCAAT
TAGCATGGTTGCATTTCTGCATCTGCACCAGGTAGCATATAAGGTGGCTCCACTGGAGAGAGATGATATTCCT
TTCGACAGAAACCTTCGAAGAACTTCTCGGCTCAAGGAATCTTCGTCGAATGAAGATTTAGCAACTTTGACGT
CTTATCTGCAAGGGGTTAGTGTGAATATATAAACTTTTCAAGCTTTGATGCATCTCTTATTAGTTGTTTTTAA
ATGTGAGCTGGCTATGTGATAATGTTTGTGTATGAAAATTATTTGATTTAGTAGTTAGAAATTTTCTTCATCAT
TCTTGAGGTTGTAATTGCCTGTTGCATTGAGAGCTTTAAATCTCGAGTCCACTGAGTTCTACAAACAAAAAACA
ATCATGATTGGAATACCAAACTTCTAGCTTGCCAAGATTTCTCAAGTTATGAAGCAAGGATATGCCCGTTGG
GCCTGATTTGAATCCTCTCCCATTTGGGCTTGAACATGTAAGACCCAATTCCTAAATCTATATCCATGAGATTG
GGGTCCATTAAGGACTGTAAGAACATAGAGAATCTATAAGAATTGCCCCAAAGAGATGATGAAGTGATCAAG
AAACTGACTGTTTCATCCCGGAAACCAAATCTTCTTGGACCTTGACCACATATCTGAACGAGAAAAAATGTTTGA

ACAATAATTATATGCAGTCTAGGTTATACTTATCTCTATGCATCCCTAACTTGTAGAAAAAGAAAACCTTTGCTACA
TGGCAATGGCAATTTATGATGTGGGACTTGGTAGACTGCAACAGATTTTTGCAACTGGAGATGCACCAAAAAA
ATTATTGAAGGTAGACCAAAGGGGAGAAATGACAAATTAGAAAAGTCTTAATGAAAAGACATGTCGGCGGA
GTGTTTGATATTGATTTGATTTTGAGGGCTCTCATGGCCTCTAATCTGGATGGAGAANTAAGGGGGTTT

>trans_s_12202HM122517|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL6)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACCAATCTAATATTCGCTTTTAGATTAAATTAATTTGAATTAAGAAAATA
AATACGAATTGTTAAAAGGAAAAAGGACCAATTGTCATTTAAGAATTAAATCAGTGGGACTGTTTTAAAC
GGTGGGGTAGTATTGGACTTTATTGACGTTTTGTGTGATTAATTTTTAACCGAACACGGTTAAAACTTAAC
TCTTCTCTTTCCTTTACTTGGGTTTATCATTATAAATCCGCAGCCGATCTTTTTATTCTTCATTACACCACTCG
GCTCCAAGATGATGATCGGAGAACAACTAGATTCAACCACACCATTCAAGTTCCTCCTGGGACCCACTTGAA
GACCATCATATAACCGGAGTTTCCTCGCCGGTTTTCTGTTGCCGGTGGGGTCGATTCATTTCATCGACTCTTTTTCC
TCCATTCACCGGTACCTACCCTCTGCGGCGGATTCTGATGAATTGGATGGGGTGGGAGAGGCGGTGGACGGT
TTTTCTGCGATCATTTTCGGATGTTTGAGTTCAAATCCGGAGATGTGCACGTGGGAGGTCGCACGATTGGA
CAGAGTGTCCGTACGCGCATCCTGGTGAGAAAGCTCGACGGCGTGACCCGAGGAAGTATCATTACTCCGGTA
CGGCTTGTCGGGAGTTTCGAAAAGGAAATTGTAAGAAAGGGGATTCTTGATTTTTGCTCATGGGATATTGGA
GTGTTGGCTTCATCCAGCTCGGTATCGGACTCAGCCGTGTAAGGATGGGTTAGCTTGTGCGCGTCGTGTCTGT
TTTTTCGCGCACACGCCGGAACAGCTTCGGGTTCTGCCGCAGCAGAGTCCGAGAACCCCTGTTTCGGCTGATT
CCGTTGATGGGTCATCACGAGTTGCACATGCATTGATTCATATTTTAGTAAAGGGTCATTTGTGACTTCACCC
ACTTCAATTCTATCAACGCCGCTGTATCTCCGCTTCTGACTCACCACCCCTATCTCCGAATTGTCCGTTTAATT
CAATGAATGGATTGGTCTCGTGTATGCGCAATCTTCAACTTGGGAAATTAAAAGCAACCGGTCTCATTGGGG
AAAGAATCAATTAGGATCACAAAACCTCTCTCTCCCTCCGGCTCTGGTTTGTACAACCTACCGTCAACTCCAAC
CACCGGAAATTACGAATTATGGGGGAAGAATTACGAGGAAGAACCTGCAATGGAGAGAGTGGAATCTGGGA
GAGACTTAAGAGCTCAAATGTATGCGAAACTCAGCAAAGACAACCTCTGTGAAGGAGATGGATTCGACATTGA
CACCCGATGTCGGATGGGTTTCGGAGCTATTAATGTGAGAAATGGGTTCAAAAAGAAAAAAGAAGAAGAA
GGAAACTTGATCAATCGGTGGCCTTTTTGGGGTTTGTGTTGTGAATACATATTTTGGTGGTGGGTTTGTGGAATT
TTCAGCGTTTATTTTACAATTGTATTTAAATTTAATTAGGAGAAAAGAATTACTCTGTTTTTATTGTAGATATGA
AAAGACGGGATTTTTAGGCTGCCGAGAAGTAAGTAAGGGTACATAAGGAAGGTTGTTGTGCGCTGGGCTTTG
ATTTAATTTAAATTTGTAATATGATATTTTCAGATTTCCAGTAAAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12203NM_116672|Arabidopsis thaliana early-responsive to dehydration protein-related /
ERD protein-related (AT4G04340) mRNA, complete cds

ATTTCCAATGATCCAAATCTATAATGCCAGCAGCTTTTGTTCATTTAAGTCGCGTTGGGGTGCAGCTGTTTG
TGCACAAACTCAGCAATCTAGAAATCCAACCTTTGGTTGACAGAATGGGCTCCAGAGCCACGTGATGTATAT
TGGGAAAATCTTGCAATTCATATGTTTCACTTACTGTTAGAAAGCTAATTATGGGTGTTGCATTCTTCTTCTT
ACCTTCTTCTCATGATCCCATATCGTTTGTACAATCTCTTGCAAGCATTGAGGGGATTGAGAAGTTCCTCCCA
GTCCTGAAACCCATTATTGAAAGGGACTTTATTAAGTCATTTGTCCAAGGTTTTCTCCTGGAATCGTGTTGAA
GATTTTTCTATTTTTCTGCCTACAATATTGATGATAATGGCTAAATTTGAAGGATTTACATCTCTATCATCTCTA
GAAAGGAGAGCAGCAGCTCGTACTACATTTCAACTTTGTGAATGTGTTTCTTGGCAGTGTAATTGCAGGAG
CTGCTTTTGAACAACCTGAATTCTTTATCAAGCAGTCTGCTGATCAAATCCCAAGACAATTGGTGTGGCGATA
CCAATGAAGGCAACCTTCTTTATACTTATATCATGGTTGATGGATGGGCTGGCATTGCTGGGGAGATTTTGA
TGTTGAAGCCTTTGATAATGTTCCACTTAAAGAACTTTTTCTTAGTAAAGACTGAGAAGGATAGGGAAGAGGC
AATGGATCCAGGAAGTCTCGGTTTCAACACAGGAGAACCTCGAATTCAGTTATATTTTCTATTAGGTCTTGAT

ATGCAACTGTGACACCACTTCTGCTTCCTTTCATCATAGTCTTCTTTGCCCTCGGCTTTGTTGTATTCCGGCATCA
GATCATAAATGTCTACAACCAGGAATATGAGAGTGCCGCAGCATTCTGGCCTGATGTTTCATGGGCGAATCATT
TATGCATTGATTTTCTCACAGGTGGTTCTAATGGGACTACTAAGTACAAAGAAAGCTGCCCAATCAACCCCTTT
TCTAATTGCACTTCCAGTAATCACCATGTCATTCCATCTATACTGCAAAGGCCGCTATGAACCTGCATTTATCCG
GTATCCCATACAGGAAGCAATGATGAAGGACACTTTGGAACGTGCAAGGGAACCAACCTGAATTTGAAAGG
GTACTTGCACGCTGCATATGCCCATCCGGTTTTCAAGGAAAGTGAAGATGACGACGAAGTCGAGTCAAATGA
AGCATTTGAAACAGAAAGTGTGTTGGTAGCGACGAAACGCCAATCAAGAAGAAACACCCCGTTGCCGAGTAA
AGCAAGTGCTCCTTCGTCACCATCTTTGCCTGAGGTTGCGAGAGACAACCATCAACCTTAAAACTAAATCAA
GGTACATAGGATTCACATCTCTCTGTACATTTTTTACTGTTAAATAAAATGTTATGTTGTGGAGAAATGATGTT
GTAAATTGAATGAGAAAAAGTTGTAGAATTTAGAGTAACCACTAGAAAAGTTTGTTATTGTATTTTTTTTTTT
CTCTTCTTTAAATTTAGTTGTTTCTTAATAGTAAGGAGGATGATAAATATTAAATTATGTCTTGTGGAGCCTT
TTGTGTAATTTTCATATTTTTTGGTTAGCTTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12204NM_111369|Arabidopsis thaliana zinc finger (DHHC type) family protein
(AT3G04970) mRNA, complete cds

CTACCTTGTTGATGCCCTTGTTCAATTCTCAAACCTCTTGATTTTTGGATGTAGAGTAACCGAATTGATAAGGG
AATCAAAATCAGCTTCTCTTTCAATTTCTAGTGCGATGGCTGTTCAATGGTTACTGTTATGTCATGGCTTTGTTA
CTCTTTTAGTGGTGGTCTCTTTCCTTTGTAGTCAATGGCCTATCTTTGAGGGCACTCCCATTCACGTATTCACC
ATTTTATCACTTCTGGCGCTACGATTATTTCTTACGATTTGTAGGATACGTATTTGGGTCAAAGGAATAAT
GCAGTTCTTGCGTTGAAAGTTTCTGCTGCGACAGACCTAATCCAATCCTTCAGGTTATTTATCTTGCCATTATT
GGGGTTACCTATTACATTGTTACGATGTCTACATTCCAATATGTCCCTGGTTATTATTTAAGTGGGATTCATAG
GTACACAAGCTTTTTGGCTGTTACTGTTGGTGTCTCCTCTTTCTATTAACCAGCTTTTCTGATCCAGGGACAGT
GAATGCTGATAATGTAACCTGTTATCTGTCTGCTTATCCATATGACAACATTATTTACTCTGAAAAGGAATGTT
AAGTTGCAAAATTCAAAACCTGCTAGATCCAAACATTGCAGCATATGTGATCGTTGCGTTGCACGTTTTGATC
ATCATTGTGGATGGATGAATAACTGTATAGGGGAGAGGAATACCCGGTATTTTATGGCCTTCCTTTGTGGCA
TTTCCTTCTTTGTATATACGGGACAGTTGCAATTGGACTAGTTCTTGCTGGACAATTTAAAGAACTAAAAGTTA
TTTATGTCTTGACGTTTTATTATGGAATTGAAATCTTTCTCCAGTCTAGCTCCATATGTTGTACAATGGATTCT
GGGCTCATACAATACTCAACTACTACTTATGGTGTTTCTCGGATAGTATCCCTGCTATTAGGAGGCTTCTTTG
GTTACCACGCCAAACTCTGTCTCACAATACTACAACAAATGAGACTTTTAAGTGGCAAGAGTACCTTAGCTGGC
AGAGGAAGGTAAATGAAGCCAGGGCAAGTGCAGCAGCCTTAAAAACAAGCATGGATGGTCTGAGTTCTGAA
AGAAAGCCTCCAGAGAGCAAAATGGAGAACCATTTTTCGTAGATCTCGACTCGAACAAGTGCAGGTTGTCAAG
AATAATACTTATGATCAAGGATTGTTACACAACATTCATGAGGTTATTTCCCTTTCTCATCAAGACCATCATTT
TCACGAAGAAAACCAAAATCTGGCTGAAACTGCTGTAATTTAAATGTTCTGTGATGTGATGAACCGTATTCA
ATGTAACCATCGATGGGTCCGTCAGTCATGCTTGTCTTCAGATTGCAAGGTCGATCACTCAGTTGAATCACT
CATGAAGGAGGATGGCCCTTTGAAGATTGTACAATATATCCTCTTGCTTTTGCATTCTCCATAGTTTTTTGTGG
TAGGGATCTTTATTGACCTCCTAATTTTAGTTTCTAAGATTGTTGTGAATTTCTAAATGTTTCTTTTTTACGTTAG
TCGGTTAGTGAACTAGTTTAAAAAGTTTGTATTTCTAAGAAATTTATGAGCTTTGATGAAATGTAACCATTG
ATTCTCTTTGTGAGTCCGGTGAAATTATTGATTTGAATGAGCGAAAGTTTTACCTAAA

>trans_s_12205NM_116212|Arabidopsis thaliana scpl40 (serine carboxypeptidase-like 40); serine-
type carboxypeptidase (scpl40) mRNA, complete cds

ATCGATCGAGATTTACAATGGCAATGAGAAATTCAGAATGCGGTTCTTCAATAATTCTCCTCTCTTTCTTCTTA
ATCGTTCTTTTTCTGTTCAAATCGAGGCTAAGAATCAGAAGGAAGCGTTAGATGCTCTGTACAAAGCGAAATT
CTTCAAGAACTCAAAAGCTGCCCGGGGTTTTTCATCACAACCTCTCGTTAACAGCGAATCAGCGACGACGACG

ACGACGACTTATAATCAAAACGCCGAAAACGTTGAGATTTACGATCAAACCGGAATGAAGAAGCAGGACAAA
ATCGTACGGCTTCCAGGACAACCACCGAACGTTAGATTATCGCAGTACGGCGGATATGTGACGGTGAACAAA
TCTGCGGGTAGAGCTTTTTATTACTTCTGTTGAAGCTCCTCATAACAAGAAATCCTTGCCGCTTCTTCTCTGG
CTCAACGGAGGGCCTGGGTGTTCTGCTCTTGCCTATGGAGCAATGGCTGAACTGGGTCCCTTTTCGCGTTTCGA
GCGACGGCAAAACCTCTTCCAAAATAAGTTCTCGTGAATCACGCTGCGAATGTGTTGTTTTGGAGTCACC
AACGGGGGTTGGATTTTCGTAACAAATACGACGTCGGATTACAATACAAACGGAGACAAGAGCACGGCGGA
AAACAACACTACGCGTTTTTGGGGAATTGGTTGGAGAGGTTCCCGGAGTACAAGACCCGGGATTTCTATATCGCC
GGCGAGAGTTACGCCGGTCACTACGTCCCTCAGCTGGCTCACACCATTCTTTCACACAATAAGAAGGCTGGAA
AGAAAATCGTCAATCCCAAGGGCATTATCATTGGAAACGCCGTGATCAACGATGAAACAGACCAAATAGGAA
TGTACGACTTCTTCGAAGCCACGCACTAATCGCCGACAGAACCGCAAAGGACATAAGGAAATACTGTAATTT
CACGTCCGACGAGGCGGTGCAGAATCGGCAATGCATAGATGCGTCGAACATGGTAGAGTCAAACATAGGCG
TAATTGACATCTACAACATCTACTATCCATTATGTCAGAATACCACCCTGACAAATGTGCCTAAGAGAGCGTCG
GTGTTGAACTACGATCCTTGCACAGATTACTACACCTACGCTTACTTGAACCGGGCCGACGTTCAGAAGGCGA
TGCATGCTAACGTCACGAAGCTTTCGTACGATTGGGAGCCTTGAGCGATGTCATGCAGGGGGTGGTCCGAT
AGCGCTTCTACTGTTGTTCTTTGTTGAGTGAATTCATGGCTTCTGGCTTACGAGTCTGGGTTTTCAATGGTGA
CTTCGATGGGAGAGTACCCATTACTTCCACCAAATATTCTATCGACTCAATGAAGCTTCCTGTGAAGAAATCTT
GGTACCCTTGTTCAATGCTAATGAGGTCGGAGGGTATGCTGAAGTGTATGAAGGGGAATTGACATTGGCAAC
AGTGAGAGGGGCAGGTCATGAAGTGCCAAGCTACCAACCAAGAAGAGCACTTTCATCATCAAACACTTCCTT
CGTGGAACCTCTCCCTTCTTCACATCGTCGCACCACATAACCTTATTTCCATCTATAATTTGAGTTACCATT
CTAATATTTTTAGATTGGTTCTTATTACTTCTCTATTTGTTGTTGCATTTCTTTTCAATAAACTTGTTTTAGGG
G

>trans_s_12206BT010615|Arabidopsis thaliana At1g34320 gene, complete cds

AGCAGACAAGAGAGAAGAACTGAAAGTTTTCACTTGTGAAGTGATTCGCTTTGGCAATCGATGCAAAGATCCT
CAGTGGCACCAATTGCACCGCTATTTGAAAAGTTTGGTTCAGAAGTTACACAACAAAAGCAATTGAAGGATG
ATGCTAATGCAGTAATGCAGCAGATGATGACATATGTACACTACACAGCAGAACTTTATCATGAGTTACAAGC
CTTAGACAGATTTGAACAAGATTACCGGCGGAAGCTTCAAGAAGAGGATAACTCCAACACCGCTCAGAGAGG
AGATAGCATTTCATCTTGAAGGCCGAGTTAAAGAACCAAAAGAAGCATGTCCGGAGTTTGAAGAAGAGATC
TCTCTGGGCCAAGATACTGGAAGAGGTGATGGAACAACCTTGTTGACATAGTGCATTACTTACACTTGGAGATT
CGTGAAGCCTTTGGTAGTGCTGATGATGATAAACCAGCCAAAGGTTCTCAGAGCAACCACAAAAAGTTGGGG
ACTGCTGGTCTCGCTTTCATTATGCAAATATTATTAGTCAAATTGATACACTTGTATCTCGATCAAGTTCTGTA
CCTCCTAATACGAGGGATGCTTTATATCAAGGACTACCTCCAGTATAAAGTCAGCATTACGCTCAAACTACA
GTTATTTACCCCAAGGAAGAGCTTACAATTCCTCAAATCAAAGCCGAGATGGAGAAAACCTTACATTGGCTT
GTTCCATTGCCAACAACTACCAAGGCTCATCATGGATTGGTTGGGTTGGTGAATGGGCAAATACAGGGG
GCTGAAGCCAACCGAAAACCTTCTGGCCAGAGTGAGTTACTAAGGATCGAGACACTCTATCATGCAGATAAA
GAAAAGACCGAATCTTACATTCTTGAGTTGGTGGTATGGCTTCACCATCTAATCAGCCAAGCTAGAGCTTGTA
ATACTGGAATAAGGTCTCCTGTCAAATCCCAATTAGATCCCAATCAGCGGACGATTCAGTTATCGAACCA
GAAACCAAGTTCACGATCTCCGACGTTGACTGTAGAAGACCAGGAGATGCTTCGATATGTGAGTAAAAGGAA
ACTTACTCCAGGAATAAGCAAGAGTCAGGAATTTGATTTCAGCAAAAACCAGGTTAAGCAAGCACCATAGGCT
AAGTAAAAGCAGCAACCATTCCCAACCAATGAAAACAAAAGGATCCCTTCCCCCTTCGAAGGCCAACTCC
GTCCAGTTATTGATTTTGATATTGACCGCATGAAAGCTTTGGATGTCATCGATAGAGTCGACAATATCCGAAG
CTTTTCATAATCATCTGGATTGAAGTTCAAGAAAAACAATCACTGCTAGTGTATGCATAAGGTATAACATGCC
ATTTTCCAATTTGATTCGTGTGCTTGGTAGTGTTTATGGGTGAAGGAGAAGAAGATTGTTGTTATGAGATGAA
TGGAAGGAAAATTTTAAAGGGTTTGTCTTTTGGATGTGAAAATATATAAGGGTAATAGCATGTTAATGTCA
GGGGACAGCTTTAAAATAGTTGTAGAAATGTGAGAGGTTTCAGATAATAGTTTATTTTCGGTCTGTGTATA

GAAATACTTTTATTATTTTCATAATAATTGAAAGGTATTTATGGATTCTTTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_12207AB189169|Oryza sativa Japonica Group OsIDHc;2 mRNA for NAD-dependent
isocitrate dehydrogenase c;2, complete cds

ACACAACGATTGGTGAAGGATATGAGTTTCACGTAAATGTAATGAACTGACCGCGCTGGATAATACCTCTCC
ATTTCTTCCTTTTCTTTACGCTGTCTAACGCTGAATTTATTTTCTCTCCTTAGACCTTACCAACTCCGGCGACTC
CCTAATGATCGATCTCAATTGTTAGACGTAAACCGTTGGAACCCTAACCAGCCAGCTCTAGCTCCCAAAGACCC
TTTTCCAGCGATGGCTCGAAGATCCTTACCCATCCTCAAGCAGCTCCTCTCTAAATCCCCCTCTTCCGAGAATCC
TGCGCTTTTGTCTCATGTTTCAAATCCTCAATCGACGCTCAAATCGATCCGTCACCTTACATGCCCCGACCCGG
AGACGGCGCCCCCTCGAGCTGTTACCTTGATTCCCGGAGATGGAATTGGGCCCTTGGTTACTGGCGCCGTGGA
GCAAGTCATGGATGCGATGCACGCTCCTGTGTATTTGAGAAAGTTTGATGTTTCATGGGGATATGAAGAAGGT
GCCTCAAGAAAGTAATTGACTCGATTAAGAAAAATAAAGTGTGTTGAAGGGAGGATTGGTGACACCTGTTGG
TGGTGGTGTGAGTTCGTTGAATGTGCAATTGAGGAAAGAGCTTGATCTTTATGCGTCGCTTGTGAATTGTTTT
AATCTTCTGGGCTTCTACCAGGCATGAGAATGTTGATATTGTTGTGATTAGGGAGAATACAGAGGGTGAGT
ACTCTGGGTTGGAGCACGAGGTCGTTCTGGCGTCGTGGAAAGCCTTAAGGTGATAACAAAGTTTTGTTCTGA
GCGCATTGCTAAATATGCTTTCGAGTATGCTTACCTGAACAACAGAAAGAAAGTTACAGCTGTGCACAAAGCA
AATATCATGAAGCTTGCAGATGGTCTGTTTCTAGAATCTTGTGAGAGGTTGCCACAAAGTATCCTGGAATAA
AGTACAATGAAGTTATTGTCGACAACTGCTGCATGCAACTTGTATCAAAGCCTGAGCAATTTGATGTTATGGT
GACACCCAATCTTTATGGAAATCTTGAGCAAACACAGCTGCTGGTATTGCCGGTGGAAACAGGGGTTATGCCG
GGAGGCAATGTTGGTGTGATCACGCTGTTTTTGAGCAAGGAGCTTCAGCAGGAAATGTGGGGAATGAAAG
GCTTGTGGAACAAAAGAAGGCAAACCCTGTGGCGCTGCTCTTATCATCCGCCATGATGCTTAGACATCTCCAG
TTTCTTCTTTTGTGATCGATTGGAAACAGCAGTCAAGAAGGTGATATTTGAAGGCAAGTATCGAACCAAGG
ACCTCGGTGGACAGAGCACGACACAGGAGGTCGTTGATGCAGTCATAGCTTCTTTAGATTGAGATCAACTAA
GGGAGAATAACTTATCCCACCATTCTATAACAGTTTTTTTTTTTTTACGATTTTTTGGTGGTCAAAAATCCACCAA
TTTGCTTTGCTTCGAATTATATATATATAGTTTTTGTTTTGAGTTTTCCCAAGATCTCAGAGTTGGGAATGCG
TTTCTGTTTCAATAATCTCAATTCAAGACAACAAATTTGTGCTGTATTAGATTTGCAAAAAATCTGAAGAGAG
CAATTTTTATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12208BT020187|Arabidopsis thaliana At1g65020 mRNA, complete cds

GGACGAAGAGAACTTTCTAACAAAAACGAACTTCGAAATTCCGCCGATAACACCCAACGAGTTATCAAGAG
ATCGATCATGTGGTTTCGCAATTGTCGGTGGACTGGTCGTCTACGGCCTTCAAGCTTTTCTCGCCGGCGACG
ACGATGTTATGGAGGTTGAGACCTCCGATTTTAATGCTATTTTCGCCGTCGCGAGTAGGTACTTCATCTTTACT
TCATTTAGCTTCTATATTTCAATTTTTCTCTCCCCCTTGCTGTTCATCAATTGTTTGTAATTCATTGTTTAG
ATTCTGATACAATCGAGTAAGCAGACAGGACCTTGATGATTGACTTGTTAATTGCATCGGAAGTGTTATGAAAC
TCCCGATCGCCCTTGCTGTACTTTCTGTTTGTTGTTCCACTTCCCTTATTTTTCTAATTCACAAAATGTGTCGTT
CAGATGCTTTCCCTTATTTTTCTTTTGAGGTTGAAAAGCTTTATGGTGGAAAGGCTTACGTTGGGCTTCGG
ATTCCTGATGCTGACACCGGTTCTCGGCAGAACATTGATCTCGTAGTGGTCACCAAAGAGGAGTTATTGGTGA
TATCAGTTAAGAACTTATCGGGATTTGTCTCCATCAATTCCGATGGTTCTGGGTTTGTGATGATGGGAAACAT
AAGGCAAAGACTCTTCTGATCCTGTTGAAGAGACCAAGCAGTTGATACCAGTCCTGGAGTCTTACCTTGAAC
AAAGAGGAGTGATGTTCCAGCAGGTATTTGTATGCAAAGTTGACTTCCAAATCCAAATCCGAACAAT
TGACTCGGGGTTATTTCTTCTGAAGTTATTACCTATGACCAGTGGATGCAGCTGAAACCAGGACACAGTTCCT
TCTCTGGCTGGATGAAAGGTGCATTTCTGTTGAAAGAAAGAGTTGCAGGAAGAACCTCTGGATCAAAAGCTTA
AAGCTATACTTGGCACTGCACCAATGTGGGATAAATTGGAGCTCAAAGGGAAATATATACTTGGAGACTTTCT

GGAATTCAGGGGCAAGGAAGAAGATGTTGACTATTTGAGAGACATCAAACGGTCAAAAATTAGTCATCTGAC
CATTCAAAAGACGAGCATGCTTGGATTTGCTCCTACAAGATTGCAAGTATTGTACGCTCCACGCGACTATCGA
AGTGGGGGCTCAGCTTCATCTTCAGAGTGAGGGAAGTGACAGTAAGATCAAGCACAGAGATTTTGTTTCAG
CCTCAAAATTCTACAAAAGTTTCGTAAGTTCAAACTCTCTTCAGTTATCTCCTTGACCCTCAGTGCTTAGAGAGAT
GGCCTTGTTGTATCTATCACTTTGCTTATTATCAATTCCTTAGTGGCTGGCTGCTGTACTGAAGTTGCATATCA
CAAATAGTTTCAAGGGTAGACTGCATTCTAAGTTATTAAGTATTATTAGAAGAGAAGAAGTTAATGGTGTCT
ACCTTCTTTTTTTATTTTCGTTTGACATGCTTGAAAGTTGAAAAAGAAGTTGAAAAAGGGTCTTTTGCAACTTG
TCGACATTTCTATCAAACATTTTCACATGTCAATGGAGTTAGGCATTGATGTTACAGGTGAATCAGAATTTCCA
TGTTACTTTGTTACTGTAATGAAAAGGAAATTCAATTAATAGAAAAGATTAAATTATAAGT

>trans_s_12209AY395743|Vitis aestivalis protein kinase-like protein mRNA, complete cds

TTTAAATTCGTTTTCGATTTCCACAATTTATCTTTAAAAAAATTCATATATTTTCCAATCTGTTCAACTCCCTT
TTTTGATTTGATGCTGCTGTTGAAGTTCATCAAACACTGCGAGAAAAGGAGATTGTATTCAGCATGATTTGGAT
TCCTTGTTCTGGAAATTCAAACAGGAACTCAAGTCCAAGAAATTGAAGAAGTTGGAATCTCAGAACACTCGA
GTTGATCCGACCAACGGGAACTAAAGACAAGTTCCTCCTTCAGTGAAACCTCCAAAGGTGGAGGATCTGAA
CCTATCAAGGCACAGATATTTCTTCCGGGAGTTGGCAGCTGCTACCAGGAATTTAGGGCAGACTGTCTTTT
AGGAGAAGGAGGTTTTGGTAGAGTTTACAAAGGAAAGTTGGAAGCATTAAATCAGGTCGTGGCAATCAAAC
AACTCGATCGCAATGGGTTGCAAGGGAACAGAGAATTTCTTGTTGAAGTGTTGATGTTAAGCCTACTTCATCA
CCCAATCTAGTTAATCTGATTGGTTATTGTGCTGATGGAGATCAAAGGCTTCTGATATATGAATATATGCCTC
TAGGATCTTTAGATGACCATTTACATGACATTTACCTGGTACAAAAGTTCTAGATTGGAATACAAGAATGAAA
ATAGCGGCTGGGGCAGCTCGAGGATTGGAATACTGCACGACAAAGCTAGCCCACCAGTTATTTATCGAGATT
TAAAAAGTTCCAACATTCTGCTTGACAAAGGTTATCATCCCAAGCTGTCTGATTTTGGATTAGCTAACTTGGG
CCTGTTGGGGATAATACGCATGTATCTACCAGAGTTATGGGTACTTACGGATATTGTGCTCCCGAATATGCAAT
GACTGGTCAATTAAGTCTCAAGTCAGATGTTTATAGCTTTGGTGTGTTCTTTTAGAAATCATAACAGGCAGGA
AAGCAATTGATGATTCGAAAGCTGCAGGGGAGCAAAATCTGGTTTCATGGGCAAGACCATTGTTTAAAGACC
GTCTGAGATTTGCGCAAATGACCGATCCAATGCTTAGAGGCCAATACCTTCAAGGAGTTTATATCAGGCTCTT
GCAATTGCAGCAATGTGTGTTCAAGAGCAGCCAAATATGCGACCTGTGATCGCCGATGTCGTCACAGCTTTAT
CTTATCTTGCTTCTCAAAGATACGATCCTGGTATTATTTTACCCAACGACTCCCCTGGATCTGCCTATACTCCTCC
AAGAACCAACAGAGATTCTGATAGGAACTTAATGGAGGTAGAAGATACGACAGAAATCCAATAAACGACT
ATAATGATGCTTGTCTTCACTCCATCACACGTTTTTCCAGCCACACCGTTGGATATACTACGAGGAGTACCAAA
GGTGATTCAAAAGCTTGATTGAATGCACTAGATGGTGCCTGCTCGAATATTTACAAGAACATCATCAAATCAG
GTGCATTTCTATGCTCCATTTTGCAATTTGTTTATAGAATATAGAGATAGGGTATATATATTTACACACTTGGT
TTTTGTATGATGATTGTTATTCCTTTGATATTAGTTAGGTATAATTACTTGAAAAGTGGACTGAGATTTTCTAA
GTTATAGGAATTGCGACGGGTACTTCTGCTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12210XM_002885009|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nodulin MtN3 family protein, mRNA

AATTAACGAAATCCCCGTAAAGTATCATTCGGGTCTCCCCCTTTTCTTCTTCATCGTTCTCTCTCGCTTCTGGGG
TTTCATAATCGATCCCACCATTTGATTTCCGGTGATATTCCGGCGGAGATATACGTTTTCTTTTCTTTTCTTTT
CTTTTTTTTGTGGTGTGCAATTTGTTTACAAGAGACGAAGAGTTTTTGTGTATCTTCAAAGTTATTTTAGATG
GTTCTTCTCGTTCCATCTTCTCAATTTGCAGGGATGCAGCTGGAGTTGCTGGGCACATATTTGCTTTTGGGCT
TTTCTGTACCTTTAGATACATTTAGACGTGTGATCAGAAACAAAACAACAGAACAGTTTTCGGGTTTGCCAT
ACATATATGCTCTGTTAACTGCCTTATTTGCCTGTGGTATGGCACACCCCTCATTTCTCCGAGAAACACGATG
GTCATGACGGTCAATTCGATAGGCGCAGTATTTAGTTAGCCTACATCTTGCTCTTCATAACATATGCTGAAAA
GGGGAAAAAGATAAAAAATGCTAGGATTGTTGCTTGGAGTATTTGGCCTTTTATAGTTATTGTTATTGGGAGC

TTACAAATAACTGACCTCCCCTTGCGACGGAATGTTGTCGGGATTTTGAGTTGTGCATCTCTCGTATCAATGTT
CGCCTCTCCCTTGTTTATTATTAATTTGGTGATTCTGAACGAAAAGTGTGGAGTTTATGCCATTTTATCTCTCCCTT
TCGACCTTCCTCATGAGCATATCTTTTTCTCTATGGACTGTTCAATTACGATCTATTCGTTTATGCCCCAAATG
GAATAGGAACTATGTTGGGGAGTGTCAATTGGTGTGATTGCTACTTCAGTCGAGTTGCTAGAGAGGAGTC
TAGAGAACCTCTAATTGTATCATATGCGTAGATACGTACATTGTGATTTACATCATGATAACGAGGACATGGT
GTGGAAAATAGGAAAACAGCCAATCTGAAAATGTTTTTCATTTACCGCACGAACAACAGATTTCCAAGGGTTG
ATAATTGGTTCCTCCACAGCATCCGTGTGCAGTTCGTTGTTAGCCAATGAACCGTTATCGGGCTACATTGTGTT
TTGTTGTAAAATTACCTCTCCATTAATTTCTTCATTTTGATTGATTGGTTTGTGTTTTCAACCCACCAATCACTTAA
ATGGCGTATTTTTAGACAACCAACCCCAAATTCTCAAGAGTGAAGAATGTTGTAATGTTTTTAGCCTTGTGAT
TTAAAAGCTTTGCTCCACTGCTCTGCTTCTCCACTCTCACTCTCTGTCTCTCTCTGATTTTGTTGAATATGA
AGAATCTTGTATCAGATAAGAACCAAAAGAAAGGACAACGAAGGAAGTTTAACCATCTCCGGTAGGTTCTTCT
TCCAAGTTTACTCGTTGATTTGGGATAGAGCTTGGATTTAACTTGGCAAAGTTCGGCTATATGTCAATAAGTA
CAGCTTGACTTGTTTCGAACTTAGTCTTTAGCTACTTGTTCCATTTTATATCATATTTGAATAATTGTATCGATT
CACTTGCATGAACTAAACAGAAAGCTCACAGTTTCTAATGCGTGGCTAGTTCTAAACTTTTAATAAACTTTTTCT
TTTTTAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12211AF479108|Cucurbita pepo 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GATCAATAATATCAAAATCCGACGAATCGATCCAGTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAA
TTTCGCTTTAGCCAATGATCCAAGCAGAGTAATAATAGGAACTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTA
TTAGAAATGAATTTTGATTGTAGACTCAGGTATGGTGACTTCATAAATTAGCTTGTGAACCTTTATATCGGGTTT
TTCAGTTCTCCACTGAAAATACCCTGTGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGG
AATTACGTTACAAGGCGGCCCCGCGACTCATCCGTCACGAGGGCTTAGCCAACGACACGTGCCTTTTGGGGC
CGAAAGGCCCTACTGCTGGTCGGCAATCGAGCGATAAGCACATGCGTCGCTTCTAGCCCGGATTCTGACTTA
GAGGCGTTCAAGTCATAATCCAGCGCACGGTAGCTTCGCGCCACTGGCTTTTCAACCAAGCGCAATGACCAATT
GTGCGAATCAACGTTTCCTCTCGTACTAGGTTGAATTACTATTGCGACACTGTCATCAGTAGGGTAAACTAAC
CTGTCTCACGACGGTCTAAACCCAGCTCACGTTCCCTATTGGTGGGTGAACAATCCAACACTTGGTGAATTCTG
CTTCACAATGATAGGAAGAGCCGACATCGAAGGATCAAAAAGCAACGTCGCTATGAACGCTTGGCTGCCACA
AGCCAGTTATCCCTGTGGTAACTTTCTGACACCTCTAGCTTCAAATCCGAAGGTCTAAAGGATCGATAGGCC
ACGCTTTCACGGTTCGTATTCGTACTGGAAATCAGAATCAAACGAGCTTTTACCCTTTTGTTCACACGAGATTT
CTGTTCTCGTTGAGCTCATCTTAGGACACCTGCGTTATCTTTAACAGATGTGCCGCCCCAGCCAACTCCCCAC
CTGACAATGTCTTCGCCCCGATCGGCCACCGAAGTAAGCGAAATGTCCAAAAGAGGGGCAGTGCCCCGC
TTCCGTTTCACGGAATAAGTAAAATAACGTTAAAAGTAGTGGTATTTCACTTTCGCCTTTCGGCTCCCACTTATC
CTACACCTCTCAAGTCATTTACAAAGTCGGACTAGAGTCAAGCTCAACAGGGTCTTCTTTCCCCGCTGATTCT
GCCAAGCCCGTTCCCTTGCTGTGTTTCGCTGGATAGTAGACAGGGACAGTGGAATCTCGTTAATCCATTC
ATGCGCGTCACTAATTAGATGACGAGGCATTTGGCTACCTTAAGAGAGTCATAGTTACTCCCGCCGTTTACCCG
CGCTTGTTGAATTTCTTCACTTTGACATTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGG
ACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTAACAGTCGGATTCCCTTGTCGGTACCAGTTCTGAGTTGACTGTTTCGAC
GCCCCGGGAAGGCCCCCAAAGGAGCCGTTCCAGTCCGTCCCCCGCCGGCACGCGGCGACCCGCTCTCGCC
GCGGAAGCAGCTCGAGCAGTCCACCGACAGCCGACGGGTCGGGACTGGGACCCCGTGCCAGCCCTCAG
AGCCAATCCTTTCCCGAGGTTACGGATCCATTTGCCGACTTCCCTGCCTACATTGTTCCATCG

>trans_s_12212NM_001067444|Oryza sativa Japonica Group Os08g0128200 (Os08g0128200)
mRNA, complete cds

AAAACCCCTAATTTGAAAAAACCCATTGAACCAACAAAGAAGAGAAGTTCCAAGTTTTCTGTTGTTCAAACAA
CTTTGATCTTCAACTTCAATGGCTGAGCTTCGTGATCAAGTAGATGTCGAAGACCCTCAAGCCCATTCCACT
TCTTGAATCAAATCACAATCAGAGTTCACAACCGACAAAGGAAGAAGACGACGAAGAAGCCCATTTGGACAG
TGCCTTCAAACCTGTTGCACACATTGCTTGGCCTTTTGGGCTTCCATCAATCCTCTGTTTTAGCTGTGTCTTGTCT
TGGTCTGTTTTGTTCTTGTGTTGGTGTGTTCTGCCTGTTGTAGTGCTGCAGCTTTCGGATTGCGCCGCTACGAG
AAGTACCAGATTAAGGATTTTGAAGCTTGATGTAGTTGCCTCTCATGCTTGTCTTGCAGCTGTTTCTTGCTCTGT
CTTTCTCACAACCTCAGAAAATATGGCATAACGAGGTTTCCTAGTGTTGATAGACAAATCACCTCTTTGGCTAG
GTTTCGAAAAGAATACGTCAAGAAGATACGGGGTTCAATACGGTTGCTCATCTTCTGGGCATTACCATGTTTCC
TTTTGAAGACTGCTCGAGAGGTAATTGAATACTATATGCGGAACGTTATCGTGGGGGCTATCAGTTGCTAC
CATACTGGCTATGGTCATATCCTGGACTTACCTGACCTTGATCTCTTATCAGCCGCCATTGTGTTTCATTTGAT
GTGTAATTTGCAAGTTATCCACTTTGATAACTATGCGAACTCTTGCAAACCTGAGTCTGAAGTATTAGTATAAA
TAGAGGATCATATTTTCTACGCTATCATTTGTCCAAAATAAGCCACAGATTCCGAATATTTCTTCTCGACT
TCTTGGTTGTATCTGCCACCCAATTTATGACTCTATTCCAGACGACGAGATATACTACAAGGGTTACCCTCTTAA
ATGGTGGTGATTTTGCAGTTTCTGCAATTGTTCAAGTGGTTGGAGTGATTCTTTGCTTGCATGGAGCAACAAA
GATTTCCACAGAGCTGAAGGAATTGCATCAGTAGCTAGTAGATGGCATGCTTTAGTCACTTGTGGTCCAGGT
GAAGTTTCTCAGCCTCGATATCCAAATGGTAACGGGAACCTCGGACTCTCCTGATAGACTGAAATTAATGACTT
GCACCTACTCTGAAAGTGATTTGGAGTCTTTGGATATTGTTACAATGCCTACAACCACACAGCTAGCTTCTTAT
ATGTCCTCCTATCATAAAAGAGAAGCATTTGTGATGTATTTGCAGATGAATCCTGGTGAATCACCATTTTTGG
GTGGACAGTTAACAGAGCTCTGCTGAACACTATATTTTTCTTGAACCTCACATTGGTCACCTTTGTGCTTGGGA
AGACTTTAGTTTTTACCTGAAGATGTGAAGTATCAGAAATTTCAATGGCTGCACAATCGGGTTTTTTGTAAAA
CCCTTCAAAGCCAAATTTATACATGTAAATTTATCTTTGTCTGAGAAATTTGTTCTGGTCATGTTTTCTTT
TTCTTTTTGGCCGGTGGTCGATCCAAATTTGTTGAGGTTATTTTCATATCCTCTGGATCCGGGCAGTTGACAGTC
TTCTTGATAAAGCAATGTTGTTCAAATAAACTTCTCATTTCTCATTTCC

>trans_s_12213XM_002890404|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein binding protein,
mRNA

AGAGACAGAGGCGGGGGGGCCACGAACACCAATTTCTCATGTTCTTTTTCTTATTGATTTTTAGAATTTCTTTT
CGCTTTTCTCAAGCTTCTTCTTTGTTTCATCTTTATGATTCAATAGGATCTTCTTCTTTTTCTTTTCTCCCAAAG
ATCAGTAATCATCAATTCTTTCATTTCTTCTGATTCTGCTCGCTTCTGTTTTTAAGAATATTCTGTTTGAAGAGA
AATTCTCACGCTTACTTTACTTTTTCCATCTGGGATCGAAGTTTCTAGCTCTAATTTTATGATCCCATTGTTTCTAA
ATTTGTCATTGCGTCTGCAATGGACGAGTTTGGGGTATTGACCGAAAGATTGGATTGAAGCCGCAAGGAAA
ATCGGCTCCAATGGCTGCATCTAAGCAACCTGCTTCTCAAACACCTTCCACTCTGGGTTTAATTCCGGTTTGAA
TGGTAAATCCTCCCTCGATTCTGGTTTTGTTGACGTATCGTTTCAAGAAAACTAAACCCGACTCTTACGCTG
GGGTTGATGATATTTTGGGAGTCTCAATCAGTCAACGAAACATTTGAGGAATTCTGCAAGTTCTCCATCTTCT
TTTACTACGATTCCATATTTTTTGGGTCCAAGAATTCAGATCCAACATATGATGATATGTTTAGTGGGATTGC
TGGATTTAAGAGCTCGGGTACAGCGAAGAAGGAGGATCCGGTCCGATCATTTTCCCCATCTTTGAATCATACC
TCTCAAATGATGACTTGTGTTGGTGATTTTAGCAGCAATGTGGTGAAACCAACTCCTAACCCGAACGGAATAA
AAAGTGCACCAAATAACGCTGCCCCTTTTGATGAATTGATTTGGGGCTTTGATGATAGCAAATCTCGAATTAAC
AGAGCAAGCATGCAGGACAATCTGACCCAGCAAGCAACTTCTCATTCTAAATCAACTTTAGTTTCCAGCCAGAG
ATCCTTTTATAGAATTAGAATCGGCTTCAATACCATCATATAATTGCTCTGAGGCTTTTCCAGATCCGCTTGAGG
AAATGACCAAGTTCAATAATAAATTCGATAACTCCTACAATTCTTCCCCACCATTACAGGGTTCTCCAGTACCAA
AGCCAGGTCACAAGGCAGTTAAAGTTAAGAGTTCTCTTCTCTCTATTGATGAATTGGAGGACTTTGCAAA
GGGGAAGGTGCGGAATAACAGTGAAGGGAATGTGGATGCCTCAACACGCACAACAAATAAAAATAGTAAAG
ATGCACATACTGCAGGACTAAATCATCAAAAACTGTTGATGATCTGGACTCCTTTTTCAATGTGGGTCCTCGA
TCAAAGAGTGCTCCAAGGTCACGAACAACAACCTCCGGATCCTCTGTTTGACGTTCTTAAGCACAACAACAC

CTGAAATACCCAAACCCACTCCCTCAGCTTCCTTTTCCACATAAAGAAATCTTCTTCAGCTGTAAATTTGTGG
ATGATCTTTTTTTCGGAGGTTCTCCTTCATTTGGACATTTTGAAGAAGTTGATGGAGAAAGTGAACAAAGAAG
AAGAGCTAGATTAGGGCGTCTACAGAGGACCCAAGAGCGTGCAGCAAGAGCAGTGGCTGATTTGAACGAGC
GTGACTTTCAAACACAGCATGAGCAAGAAGAGAAGCGTAGGATTGCTGAATCTCT

>trans_s_12214NM_118513|Arabidopsis thaliana glycoside hydrolase family 28 protein /
polygalacturonase (pectinase) family protein (AT4G23820) mRNA, complete cds

AAAGCCTCCTTACCGATTCTACTCTTTCTCCTCGCCATTTTCTTCCATTAATTAACAAAAATCCTCAAATCTTTTC
TCCATTTCCACTTCCCTTCTTCGATCTTTCTCCTTGTTTTCACTCTCAGATCTACTTCTTCTTCTTTAAATCCTT
ACTTAATTCCTCCCAAAAAAGCTTCTCTCAACTCCTTTCTCCTTGTTTTCTTCCCATTCTTCACAATGGTCCCCTT
TTCCCTCTTCGTTTTCATTTTCTTCACTACCCTTTTCCCTCTCCACTCGCGGTCGCCGACCTCATTACCTGCTCCG
GTATAGTCCCATGAAGTACAGGAACGACAAGATTCCATTGCCGACTTTGGTGGAATCGGTGATGGCCGAAC
ATTGAACACCAGAGCCTTTCGAGCTGCCATTTATCGGATTGAGCATTTGAGGAGAAGAGGGGGTACTTTGCTT
TACATTCCTCCGGGGGTTTACTTGACCGAGACCTTCAATCTCACTAGCCATATGACTCTCTACCTTGCTAAAGGC
GCCGTTATCAAAGCTGTTCAAGATTCTCAAATTGGCCAGTAATAGCTCCGTTGCCATCTTATGGAAGAGGGA
GGGAGCGCCCTGGAGGAAGATATGTAAGCTTTATCCATGGACACGGTGTTTCATGATGTGGTGATTACTGGTG
AGAATGGGACTATTGATGGCCAAGGTGATGCCTGGTGGAATATGTGGAGAACAGGAACTCTTAAGTACACTA
GGCCTAATCTTGTTGAATTTATCAATTCATATAATATCATCATATCCAATGTAATGTTCTGAATTCTCCGTTTTG
GAACATTCACCCTGTTTACTGCAGTAATGTTGTTGTCAGATATGTCACGATATTGGCTCCTCGTGATTCCCCTAA
CACCGATGGAGTTGATCCAGATTCAAGCAATAACGTTTGCATAGAAGATTCCTACATTTGACTGGAGATGAT
CTTGTAGCTGTGAAGAGTGGGTGGGATGAATACGGTATTGCTTATGGTCGCAGTAGTTACGACATTACCATCC
GAAGAATTTCCGGGTCTAGTCCATTTGCCGGAGTTGCAGTTGGAAGTGAAACCTCTGGTGGAGTGGCAAATG
TATTAGCAGAACACCTAACTTTTACGACATGGGAGTTGGTATCAACATCAAGACAAACATCGGAAGAGGAG
GGTTCATAAAGAACATAACTGTGTCCAATGTCTACATGGAGAATTCAAGAAAGGGTCTAAAGATAGCTGGCG
ATACCGGAGATCATCCCACGATAAGTTTCGACCCAAATGCTCTTCCTATTGTCAAAGACATCACGATTAAAAAT
GCTTGGGGCGTGAAAGTACAGCAAGCTGGTTCTATATATGGCTTGAGAGACTCTCCATTTACTGGTATATGTC
TTTCAAACATCAACTTTTCGCGGTACGACGAGACCGAGATCAGTACCATGGACTTGCTCGTATGTCAGTGGTG
AGCTCTTATGGTTAGTCCATGGCCGTGCTCGGAGCTCACCAGCACAGAGCAAGATGGTCTGTGCTCTGATAAC
TTCTAAGTTCATGTACTTTGTATATTTTGTCTTTAACTCGTGAAATTTTCACATTCTCAGTTTGTAGCATCTAT
ATTTCAATTTGTCTCGAAAGTGTTTACGATGATGTTTCATCAATATCATAACG

>trans_s_12215NM_111096|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT3G02290) mRNA, complete cds

AGCAAAGGGGTCAACGGCAGCTAGCAGCGAGCGAGAGAGTCGAAGAAGAAATCTCGATATTGAGAGAGAG
AGAGAGAGGGAAGCTTTATTCTTGTTGAATTCACAGCTTTCAATTCATCATCGCCTTCAATTTTCCAATCCAAAA
TTCCCTCCTTAAATGCGCAATCTCGATTTAGCTTGAAATCCCAATTATCTATATACGTGATTTTACCAAAAA
GGCGCATGTATATAATTTCCACATATTCTTATTTCTCCAATTCCCAGCTTCCAGGTTTCTCTGTCCTTCACCAC
CACCGAAGATCATATTCTCTTTCCGTCTTCTCGTCTCTTCTCCCTCCACTTTACTCTTCTCTCAAGGTGAAAAGCA
CTGTTTAAAAAATCCAGTTTATTCAACTTCAAGAGAGAGGGTACTGGTTCGTGGAGGCAATAGCACTTCTGCG
AGCTTATGTACTCTCATCTCCGTTTCTGCATAATCACTGGCCAATATCTCTCCATTTGAATGCAATTGAACAC
CTAAATTGGTGTATCTGTTGACTTGGGAATCTGCTGGGTTGGTAATTGAGAACAATAAAAAGATTGGTAGAAG
TTTGGCACAATGGGTGCTGTCTGCTGTTGTTGAGCGTGGAGGATTTTGAAGACTATGTTAATCCTAATAGTTC
AGTCTATAGGAATTGCACCTGTCTTAGTTGCTTCATTCAAAGCTTCTTAAATGCTTACACATTCATTTTTCGAAG
AGGAGAAGTACATTCTGTCTCCTCATCAATTCAGGGGCAACATCTATGAATTCGACAGCATCGACAGATAAC

>trans_s_12216NM_112305|Arabidopsis thaliana CID9 (CTC-Interacting Domain 9); RNA binding / protein binding (CID9) mRNA, complete cds

>trans s_12217X67696|C.sativus mRNA for 3-ketoacyl-CoA thiolase

TATTCCTTTCCGGACAATCCCATTCTCCCACGACTTCATACCTTATGGAGAAAGCGATCAACAGGCAGAACAT
TTTGCTACATCATCTCCGGCCTTCTTCTCCGCTTACAGCCATGAATCTTCGCTCTCTGCATCGGTTTGTGCAGCT
GGGGATAGTGCTTCGTATCAAAGGACATCGGTGTTTGGAGATGATGTCGTGATTGTTGCAGCGTACCGTACT
GCCCTTTGCAAATCGAAGCGTGGTGGCTTCAAGGATACTTATGCCGATGATCTGCTCGCCCCTGTTTTGAAGG

CATTGATAGAGAAAATAATTTGAATCCAAGTGAAGTTGGGGATATTGTTGTTGGTTCTGTGCCTGCACCAGG
CTCTCAGAGAGCTAGTGAATGTAGGATGGCGGCTTTCTATGCCGGCTCCCTGAAACTGTGCCC GTTAGAACT
GTTAATAGGCAATGTTCTGTCGGGGCTGCAGGCCGTTGCTGATGTAGCTGCAGCTATAAGAGCAGGGTTTTAT
GATATTGGAATTGGAGCTGGGTTGGAGTCGATGACTATTAATCCAATGGCTTGGGAAGGATCTGTCAACCCA
AGAGTGAAGTCGATGGAAAATGCACAGAACTGCCTTCTTCCAATGGGAGTAACCTCAGAAAATGTTGCCAG
CGTTTTGGGGTGTCAAGGGAGAAGCAGGATCAGGCTGCTATTGAGTCTCACCGGAAGGCTGCAGCCGCCACT
GCCAGTGGCAAATTTAAGGATGAAATTATCCCTGTTTCTACTAAGATTATTGACCCCAAAACTGGTCAAGAGA
AACCTGTTACAATCTCTGTGGATGATGGGATTCTGCTAACACAACCTCAAGCAGATCTGGGGAAATTGAAGCC
TGTGTTTAAGAAAGATGGGACTACCACTGCTGGTAATTCCAGTCAGGTGAGTGATGGTGCTGGAGCTGTTCTC
CTCATGAAGAGAAGTGTTGCAATGCGAAAAGGGCTCCCCATTCTTGGTGTTTTCAGGACCTTTTCTGCTGTGG
GTGTGGATCCTGCTATCATGGGTGTTGGCCCGGCTGCTGCAATTCAGCTGCTGTCAAGGCTGCTGGACTTGA
ACTGAATGATATTGATCTTTTTGAGATAAATGAGGCATTTGCTTCCAATTTGTGTATTGTCGTGAGAAGTTGG
GGCTAGATCCAGAAAAGATCAATGTCAATGGAGGAGCAATCGCCATTGGACATCCACTGGGTGCAACAGGTG
CCCGCTGTGTTGCTACATTGTTGCATGAGATGAAACGCCGCGGCAAAGATTGTCGTTTTGGAGTGATATCAAT
GTGCATAGGCACGGGAATGGGGGCGGCTGCTGTATTGAGAGGGGTGATTGTGTTGACGAACTTTGCAATGC
TAAGAAAGTTGAAGGAGGTGTCAATCTTCTGTCTAAGGATGCTCGTTAGAACAGAACTTCATTGCCCTTTCACT
AGTGCAAGACAGAGAAAAGAATCACTCAATAAAAGGCGACTACACTTATAATGAAGATTGATTATTTATTTGG
TTGTAATCCCAGCATTCCACCACCCTCTTTTTTCCATATTGAACACACCGAGTTTTTTTAGTGTCTTTTGGTTGT
TTCCAGAAAGGTTGCGTTATTTGTTTGAATTCAAAGGCGAATTGATCTTTAGACTTTTTGTCTTCGAGT

>trans_s_12218AF411800|Arabidopsis thaliana AT5g49210/K21P3_8 mRNA, complete cds

AACCCTACTCTTATTTCTCTCTACTCTCACTCCCCAAGCTGCCATTTGCAAAATGCTTCCATCCCGAGTTCTAT
GATCGACTTTTTTTTTAATTTTATGTTCTTCAATTCGAAAAGTTGAAATCTTGCTAATCCGACCTGTTTTGTTC
GATATTTTTTTTTTTCCAAATAGTTTTGATTTTGAATCCAGAAGCTTGACGATACCAATGGCGTTTGCGTCTG
GTTCCGTGATCCGCAATGCAACCAATCTCTCTAATAACCTTCTTCGTTCTTCTCCACTTCCATCAAATCCGCTCA
CAATAACAATCACCTGCAGACCCACGAATACTTGGAGGCGAACAGCTTTATTGGTAGCTGGCAGGCGCCGAA
AGACCCCAAGGAAGCGCAGGCCAGACTTGCTCGGCTCCGAAGGGAGTACGCCAAGCAGGTGAAACAGGTAC
GTAAGAATTACATCCAGGAGGTTGAACTCTTGAGGCTCGAAAAGGAGCAGAAGGACGAAGCCAAGAGGGAA
GCGCTTAGGGTTGCCAATGAGGAACGCAAGAAGCTCAAAGCTGAAGCTGCTAAAGTCCGAGCAGAAGAGCG
TAAGATTGCTGACGAAGAGTTCGACTGACTTTGATGAAAGAGAGAGCTGAGAAGCTGGAGCATTGGAGAAT
GATGGAAAAGAAGAGGGAAGAAAAAAGAAAGAAAAGAAGGAGCTTCTAAGACGGCAGAGTTCCACTTGG
ATTGATGAAAATAAATTGGAAGAGAAGTTATTAGAAGCCATTGTTAATACCGTCACTCTCTGAGCTTTCTACT
TTCCAGTAATAATTGCCCACTTTCTCTTGCCTTTCTTGTAGAAGCAATTTTATTTACTGGATTCTGGCTGAT
ATGTTTCTACATAGTCCAAGTTTTGACTTTTGTGATGAAGCACTCGAAATCTTGCGCACGGTCGTATCCTTTG
TACTGTTATTATTATCATTAGGGAGAAAATCAGTTTCTACTCTGTTGTAGCATTTAAACTTCAAACATAAAT
TCTATCAATTTAAAAATATGTTATCTTCATTACAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATAAAAAA
CCCCAACTTAAGGGGGGGGCCGGGAAAAAATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCAAAGG
GCCCTTTTTTAAAAACACAGGAGGGAAAAAACCCGGGGTTACCCAAAAAACCCCTTAAAAAACCCCC
TTTTCCAAGGGGGGAAAAAATAACCCCCCCAACCCCTTCCCAAATTTCCCCCCCCGAAAGGG
AAAAGGGAACCCCCCTTAAACCCCATAAAAGCCGGGGGGGGGGGGGTTAACCCAAAGGGGGCCCCCA
TTTTTGAAGCCCAAAACCCCCCTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTCCCAAGTTTCCGGGTTTTCCCGA
AAAGAAAAAAGGGGGGGGCCCTTTTAGGGCCCAATAATGGGTTTAGGCCCCCCCCCCCCAAAAA

>trans_s_12219HM122439|Malus x domestica ARF domain class transcription factor (IAA1) mRNA, complete cds

AAGAAAACACACAATACTCTTTTGTGCTTTCTGCTTAATGGAAGGCCCTTAACCCTCCCTCCCTCTCTCTCTC
TCTCGTTCTCCCTCCCCAAATCATCACCTTCTGATCTTCCCTTCTGATCTACAGCTTCTTCTAAGGTTAAAAACA
TTTTGATTACATTGTATAAATATTTCAACTTTGAAGTTCAATGTCACCTCCACTGCTGAATTCTGTACAAGAGGC
CCTTGGCAATGTCCCTGTAAGGGCTGCTTCACCTTCAATGGACTGTCATTCCCAAATGGCACCAAATTTAAAG
AGCGGAACCTACCTCCGGCTATCACCTGTTCTTCGGTGGACACCTCTGAGGTGTCTAACTTGTACACGAGAAC
AAAAGCAACCTCAATTTGAAAGCTACCGAGTTGAGACTTGCTCTACCTGGATCACTGTCACCTGAAAGACATC
ACGAATTTACCTTGATAACCTCTGGAGAACCTGATGAGAAAACTTTACTTCAATTGCTTCTTCAACGGATGGC
TATAGTGTGGCATCACACAAAAATATTATTGCTGGCAGCAAAAGAGGTTTTTCTGATACCATGGAGGGGTACA
CAGAGGAGAAAGGCCCTTTACACCGAAAGAAATTGGATGTTTCATGCAGCCAGTTCAGATCCTGAGTCTCC
ATATCCTGAGAGCCAAGGGAAGTTTCATGCCAGTTCAGGTATAAATGCAATGCTATCGTCCAGGCCGTCTGGT
CCCCATCCAAATGCAACCAAAGAATTGCCCTCAAAGGGATTGCAGGAATGGCCCTGTGAGACTAAAGGATCT
GACAATGGCAATAAAGGTGCTACGAATGACCACAACAATGCTCCGGCTTCAAAGGCGCAGGTTGTTGGTTGG
CCACCTATTAAATCATTCCGGAAAAATTCATTGGTCACTAACTCTAAAAACAATGATGAAGTTGACGGAAAGCC
AGGTTCAAGTGCTCTTTTTGTGAAAGTGAGCATGGAGGGAGCTCCATATTTGAGGAAGGTAGATCTGAGAAC
TTACTCTACATATCAGGAACTCTCTTCTGCCCTCGAGAAGATGTTTAGCTGTTTTACTCTAGGTCAATGTGGATC
CCATGGAGTTTCTGGGAGGGGATAAACTGAGTGAGAGCAAGTTAAGGGATCATCTGCATGGATCCGAATATGT
GCTTACATATGAAGATAGAGATGGTGACTGGATGCTTGTGGGGAAATCCCTGGGAGATGTTCAATTGATTCC
TGCAAGAGGCTGAAAATCGTAAAGGGCTCTGACGCAATTGGTTTAGCCCCAAGAGCAACGGAGATCCAAAAA
TAGGATTTAGCTATTGCTGAAGTGACGACTCCTCTACCAAATTGAGAATGGTGGTGTGAAGGAGAGAAAAAC
GTATAAGTGAAAAGAAGTTAGAAAAATGACTGCTGCGCAGGATGGCATTGTGGTTCAGATGCGTACCTTGTCC
TTTTTCCATGTTTTGACTCCCCGAAAAGTGCTCTTTTCATTTATTTTTGTCTTTTGCCTTTGCTTTTGTAAACCAT
AATTTAGTCATTTATCATAATTGTTGTTTCTGGATCTATAACCTTCTATGAATCTTATCGTTCAGATAATTTGTAT
TCATCGAATGCACCTGATTAGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12220XM_002877599|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein S9 family protein, mRNA

TTTTCGGTAAAAACCTTCTAAATTCTCGTCGCTCATCACACCAGCGTTCATGCCGCATCTTCACATTTCCATAG
ACAACTCTGTGCGCGTCGCCGCACTCGCCACCGTTGCTCGCCGTCGTTGCTAGTCGTTCTCTGTCTTTTCCG
CCATTTAGATCTACTCGTGTTGCTATAGTCTCCCTACCTACGAAAATCTTCTTCTCTCTCTCTCTCAAAATAC
TCAGCGTTGCGGCCGCTCTCTGCTATCGTAGCCATCTTAGTTTCACAATGCTTTCTCGTTTACTTCTAAACCTT
CCCATATCAGATTACTCGCCTTGATTTCCACTAAACCACCAGCTCAAACCTCTAGTTTTATCTCTCTCTCTCTCTCT
CTTCTCCACTAATAACAATGGAAGTAATAACAATAAACAAGTGAAGCAGAGACCAACCGACGAGCAATATC
TGGAAAATTTACAGGAAAACGATGAAAATTTTGATAAATTGTTCACTCAGGAAGCTGACAACCTTGACGGCA
TTGCGGAGGAAGACTCTGCTCAAAGAAACGACGATTCATGGGTGACATCGAAGAGCGGGGATCGGGATGCG
GAAGGGGATATTTTTGCGAGTTTGGAGAAGGAAGTTCAAGGAAATAAAGATGGAGATGGTTATGATGGATG
GCCTATGGAGAAAAAATTCGACGTGTGGAGCCTGGTAGAGGATGAAAAGAGTGATGTCTTCAACATTGAGGA
GGGTGGAGGCAAAATTTGGTGAATTTAGAGATGAGCTTAAGGAAGTGGATACTGAGAGCATTGAGGATGCAA
GGAAGCTCGAAAAGGAGAATGCAATGAAGCTCGAAAGGGAGGAGCAGGAACCTCACTGCCATCCTAAAAGGT
ACTGATGCCTCTTTCTCTCTGGAGGAATTAGGAAGACGATCCTTAGTCTTGAGAGTGGTGTGATGCAGTAGACCT
TCATGGTTTCACTATGACATTCTTTGAAGAGAATTGAGAGCTCATAAAGGAAGATATGGATGAAGTTTTAGGT
CCTAATCGAGCATTGAGGATCTTATTGCTGCATCAGGAATCACGGATGATATGATAGACAGTTTGATGGCTC
TGAAAGATTTGGAAGGGATTGAGGGGTTGTCCCTCTAAGTGAAATAGAGGATATGCGTTATGAGAAAAACA

CAAGAAAATCCTCAAGAGCTGAAATTGAACGCCAGAAACAAGAAGAGGTTGCAAAGCAAGAGTGAGACAG
GTAGATGACAAAGGAAGAGCATATGGCACAGGTAGAAGGAAATGCAGCATTGCTCGTGTATGGATTCAACCA
GGAAATGGCAAGTTTATAGTGAATGATAAAGAATTTGATGTCCATTTTCCAATGCTTGATAGTCGGGCTGTTCT
TCTTCAACCTTTCGCTGAGACCAAAACATTAGGCCTTTGGGATGTCTCATTACTGTAAAGGAGGTGGTACAAC
GGGTCAAGTTGGAGCTATTCAGCTGGGGATCAGCAGAGCCTTGCAGAATTGGGGACCCGATTTCCGTCTCC
ATTGCGAGCATGTGGTTTCTTGACCCGAGACTCACGTGTCGTAGAAAGAAGAAGCCAGGTAAGGCGAAAGCA
AGAAAGAGCTTCCAATGGGTGAAGCGTTAGGATATACATGTGCACTTGTATGGAACCTTCTACTT

>trans_s_12221NM_101815|Arabidopsis thaliana GAMMA CA1 (GAMMA CARBONIC ANHYDRASE 1);
carbonate dehydratase (GAMMA CA1) mRNA, complete cds

TTTCCACCATTTTTGAAGCAGATACAAGAAGAAGCCCAAAAGCTTCCAGTGATCTTGGTAGCCTCTGTATAGCG
CGAGATCAGAGAGCAGAAGGAAGAAGAAGACGATGGGAACTCTGGGCAGAGCTATTTACACCGTTGGATTT
TGGATCCGCGAGACCGGTCAGGCAATCGATCGCCTTGGCTGCCGCTCCAAGGAAGATATTTCTTCCAAGAAC
AGCTGTCTAGGCATCGCACTCTGATGAATGTATTTGATAAGGCTCCTGTTGTTGACAAGGATGCATTTGTAGCT
CCAAGTGCATCCATTATTGGGGACGTTCAAGTTGGACGAGGATCTTCTATTGTTATGGGTGCGTTTTGAGAG
GTGATGTGAACAGCATCAGTGTGGGATCTGGAACCAACATACAGGACAACTCCCTTGTGCATGTGGCAAAT
CTAATCTAAGTGGAAGGTTTTACCGACTATCATTGGAGACAATGTCACCATAGGTCATAGTGTGTAATACAT
GGCTGCACTGTTGAGGACGAGGCTTTTGTGTTGTTATGGGTGCAACATTGCTTGATGGCGTTGTTGTTGAGAAG
AATGCCATGGTAGCTGCCGGAGCTCTTGTGAGGCAGAATACTAAGATCCCCTCTGGAGAGGTATGGGGAGGA
AATCCAGCGAAATTCCTCCGAAAGCTCACTGACGAAGAGATAGCTTTCATATCTCAGTCTGCCACCAATTACTT
GAACCTTGACAGGTTACGCGAGCTGAAAATGCAAAGTCCTTTGACGAAATTGAATTTGAGAAGGTGCTCCGC
AAGAAGTTTGCTCGCAGGGACGAGGATTATGACTCAATGCTTGGTATTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTT
TCCTTCCCAGACAACATCTTACCCGATAAAGATCCCAAGCCTTTGCAGAAATAAAACAGCCCTTTTGTGTAATCTT
GAGTTGTTAGCTGAAGAGTATTTTGGCATCACATGCAAAAATACATGAAATCAAAAAAAGAGTTTGTGTACT
TTCACAATAATATCAATCATCTTCTACTGCAGAATTATGGCTTCCATTTTGGCTGTTGGGACTATTCTTCTGGCA
GCTTTTTAGAAATGGTTTTACTGCTCAGGATGGATGAAACTGACTTCATAAAGTAGATTGTAAGTTTGTTCATC
TGTATTGAAGAGATCCAATTTTCTTCTCCAATCATTTTGGTGATGTGTTAAATTTTGAAGCATTTGATGTTAA
AAAAAACTTCAAAAAGTAATTCCTACAGTGGTGTGGAAGCTGCTGAGAATTACTCTCCACTCTATAAGTTCAAA
TCCTTTGAATTCTTGGACATTTACATTATAATTGGGGACTATATTTAATGAGCTTGGAAATCTCTGATTGGATA
GTTGAATGTATTAATGATTAAAGATCTAATGTATGATTAAAGATATTAAGTTAAATTTAACAAAAATTAATTGA
ATCATGATGATGGGCTGACCAATATTTTGTGCTATTATTCATTGATTGCGCAATCTACATATAAAACATATTT
TAATTTTATTTACCTACTAATTTTATATAAACTTATTTAACCTAAAGTTTTGATTAGTCTTTTTTCTTTTTCTTTT
TTTGAAAAATAAGCTTGAATATAATTTCAATTTTTTTAGTTTTAA

>trans_s_12222BT011805|Arabidopsis thaliana At5g01930 mRNA sequence

TGGTGGATTTCTCAGTGAAAAGTCAAAACAATGGCTGCTCGTTACATATTACTCAATTTAAACTTGTTTTCTG
ATTGTAGTTTTTATCTCTTGTTGAGTATACAATTTATCCTTTGTTGAGGGTAATGGAGATGATCAACCATTT
GATTTCTCAGTCGAGGATGCTACTGAGAATCATTTACGTA CTGAGACATGAGTCATGGGTTTGAGGGAGTGG
ATCAAAATGACAACGACGCATGGAGTATGGTGGAGACAAAACAGAACCAATTTGTAGTAGACGGCCAACCAT
TCTATGTTAATGGGTTCAACACTTATTGGTTAATGATATTTGCAGCGGACCAATCCACAAGAGGAAAGGTCAC
AGAGGTGTTTAAACAAGCTGCTTCTGTGGGTTAACTGTTTGTAGGACATGGGCCTTCAATGATGGCCAGTGG
AGAGCTCTTCAGAAATCTCCATCTGTGTATGATGAAGAAGTCTTCAAGGGATTAGATTTCTGTATTAGTGAAG
CAAAGAAGTATAAGATAAGGTTGATATTATCATTAGCAAAACAATTGGGAAGCATTCCGTGGAAAAGCACAAAT
ATGTGAAATGGGGGAAAGCTGCTGGCCTCAATTTGACATCTGACGATGATTTCTTCACTGATCCAACCTCTAGA

AGCTACTACAAAGCTCATGTTAAGACGGTGCTTAATAGAGTGAATACATACACAAATGTAACGTACAAGGAAG
ATCCAACCATTTTCGCCTGGGAATTAATGAACGAACCCCGTTGTACATCAGATCCTTCAGGCAATACACTGCAG
GGATGGATTCAAGAAATGGCTGTGTTTCGTGAAGAGCATGGATCCAAAACATTTGCTGGAGGTTGGTCTGGAG
GGATTTTATGGTCCATCCACGCCCAATAGAGTTCAGTTCAATCCAAATACATATGCTCAACAAGTTGGAAGTGA
TTTCATCAGAAACCATAAAGTTCTTGGTGTGATTTTGCTTCAGTTCACATTTATGCAGACACATGGGTTTCTCA
AGCAATCTCTGATGCCCATCTCCAATTCACAAAATCATGGATTGAGGCTCACATAGAGGATGCAGAGAAGTAC
CTTGGAATGCCAGTCATTTTCGCTGAGTTCGGGGTATCATCGAAGGATCCCGGTTACAATTCGACTTACAGGG
ATAAATATCTTAGCTCGGTATACAAGATGCTGCTGGATTGACAAAGAAAGGAGGGAGTGGAGGAGGAAGC
CTGGTGTGGCAACTATCCCTGAAGGAACTGACTACATGGATGATGGCTATGCAATTGTGCTCTCCAAATCTCC
TTCAACTTCAAACATTATATCTCTTCAATTCTACAAGAATGTCAATCTTCAACTCCATTTGTTCCATGAAATGTCGT
TGGGGTTGTAAAAAGAAAAATGTTATGGATTTTATTTTCCCAACCAATATGATCATGATGAGATGTAATCTAA
CATAACAATACTTGTGCTCGAGAATATAGGTATCCTATCCTTATGGATTATTCAAAAGGGTACATTTGAATTT
CTTGATCATAAATAAAAACTTTCTTGATTGTATGATCTTGCTTTAAGCATAATTCTCACTTGGGAATGTCCTA
AAAATGGATCAAAAATCAGAATTAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12223AY323822|Lycopersicon esculentum DEM2 (Dem2) mRNA, complete cds

AGAGCGTTGGTTTCCACGGAAATGCAATTGAAAATGTTTGGCGATCAGCGGCGCGTCGATTTTGTTAATAAAG
GTGTCTGGGCTTTGAAGTTCCCGAGCGGTGAACAGTATCGGAACCTTCGTGACCGAATTCCAAGATTGCTTGTT
TGAGAATGTTTATGGGCTTCAAGCGACTGATGAAAACAAGGTCTAGATTTACGGGAAGGAGTTCATTGGGTG
GTTGAAGCCGGAGGTGGCTGACGATTCGATTTGGGAAAACGCGGATATTGAGTTTGAAAAAAGCCCCAGCTC
GTCAGTGAGGACGAAACAAGACTTGATAGAGGAGTTCGAGGAGGCTGCTAATGGAGGAGTGCAGAGCTTGA
CATTAGGGGCGTTGGATAACAGCTTCTTGGTGAACGACTCTGGGGTTCAGGTTTACAGGAATCTAAGCCATGG
AATTCATGGGAAGGGGGTCTCACTGAAATTTGGTGCAGGACATTCTCCAAACGTTTGGCGATCAACGCCAAA
GAAGGGCCTTCTCATGAAGGCTGAGACAAATATGCTTCTCATGAGTCCATTGAAGGAGGGAAAGCCCCACAC
GACAGGTCTAGAGCAGCTTGATATCGAGACAGGGAAAAATAGTAACAGAATGGAAGTTTGAAAAGGATGGTA
CAGACATTACAATGAGGGACATCACAAACGACACCAAAGGGTCGCAATTAGATCCTTCAGAGTCTACATTTT
GGGGTTGGATGACAACAGGCTTTGTCAATGGGACATGAGAGACCGTAGAGGAATGGTTCAGAACATTAGTG
GGTCTGCTGATAATTCGACGGTTCTAACTGGGCGCAGGGGCATCAGTTTTCAAGAGGGACGAACTTCCAAT
GCTTCGCTACAACAGGGGATGGTTCTATTGTTGTTGGATCGGTTGATGGGAAGATAAGGCTGTATTGGAAGA
CGTCGATGAGACAGGCAAAGACAGCCTTCCGGGGCTTGGTTCGCCGATTACTCATGTGGATGTTACTTATGA
TGGAAGTGGATTTTGGGGACGACAGATAGTTATTTAATACTCATCTGTACTTTATTCACTGATAAAGATGGC
AACACGAAGACTGGGTTCAGTGGTCGTATGGGGAACAGAATTCCAGCTCCGAGGTTGCTGAAGTTGACTCCT
CTGGATTCCCACTTGGCTGGAACAGACAATACATTCCACGGTGCCATTTCTTTGGGTAACCGAGAGCGGTA
AACAAGAACGTCACCTCGTTGCAACAGTGGGAAAATTCAGTGTGATATGGGACTTCCATCGCGTAAAGAACA
GTTACATGACTGCTACCGGAATCAGCAAGGACTCAAGAGCTGTTACTGCTACAAGATTGTGCTGAAGGATGA
GTCCATTGTTGAGAGCCGATTCATGCACGACAAGTTTGCTGTCTCCGATTCTCCAGAAGCTCCACTGGTTGTGG
CTACCCCATGAAAGTCAGTCCATCAGCCTCTTGGAAGAGATGAGAAGCTATCGCTGTGCTCGATGGTGT
GCCTTCTCATATATGTCGGTTGATGTGTGTTTCGTAGCTGTACTGGTGTGCTTTCTTTGTTTATCCACTTCATAT
GTATTTATGATCTCTTTTCATTTCCACTTTTCTTCTGTTTCTGGTCATATTTTGGTTGTATGTGGCTTTT

>trans_s_12224NM_202476|Arabidopsis thaliana Expressed protein (AT3G01435) mRNA, complete cds

AGACACTTCTAGGTAGTTTTTAAGTTGGTTTGAGGGTGAAATTGTTGTTGAAGTAATTTTGAGACTTGAAATGC
TACTTTCACACATTTTAAAAACCTTTTAGGTTGGCATTGAGTTTGAAAGTCAAACCTTAGGAATTTTAGGTTGGT

TTTGTTTTTCACCTTGAAAGTCTCATTTAGGCATTTTAAAGATACGTTGATAGTTAAAGTAACACTTAGACACTT
ATTGGGTACTTTTTAGATTGATTTGAAAGTAAAATTGATATTTTGAAGTAATATTTGAGATTTGGAGTGCTACT
TTCACAAAAGCCCATGGGATGTCTCGAATCCGAAGCAGCCACCAAGCAAATCCCTAACCCAAGTTGGAGTGCC
CGAATCCAACCCTAGCCTGCCCGATTTCCTTCCGTTCTTTTCTCTATGTAGATCATCCTACCGTTTCCCAGATTT
CCGACCACAAACACCTTCCTATCTATTTTGAACCTTCCCATCTCGTAGCTTTCCTTACAGTTTTTGAGAGAAAAG
TTAGAGAGAGAATAGGGAATCTACTTTTTTGAGGATCTATATTGTTTCATCGTTAATGCCTTCACAATCTATTGG
ATGTGGCAGAAACCTTAAACCTGGTTTTTGGTGAAGAGATCCTTGTAATAACGGATGAATTCAGCTTTAATTG
AGATGTTGACGTTTACTACTTATTAGGACACAGCCAGCATAGCTCTTGATGGATCCGCCGGCCGAGAACTTCTC
ATTGCAGCGCCTCCAAAATGTTGAGAAGAGAATTGTGAGGGTTTTGGAGCTAGCAGGAGGAGTCATGGAAG
AGCTTGCCAACCCAGCTGGTCCAAGAAAGAAATTTGTCAACAATCATTGCAGTGAGTTCATGCAATTTATCAA
GGATATCCAAGTTACATTGCGGGATGAAATCAAAAAGTGCATGTGAATATCGTCCATTTGAGAAGTGTGATTAT
AGTTCAAGGATTACTAACGAACCTTGCTGCAAGAACTGGAATATATGATTTGGAAGTTGGATGGAATGAAAC
AAACTATTGATGATTATCAAGTGAAAATGGAAGAATCTTGAGTCACATGTCCTAGTGAGCTTCTAATCTATCTC
TGCCACTTTCCCATTTGTAGAAACGAAAGGTTGAACGAGAACTTCAGTCATGTATGTATATAATCTATCTCTA
GTTGAGCTGATAGCATCCACTTTTGAATGTTGATTCATACAAAGATTCTACTATACAGTATATCTGTTTTATTAT
CCTATCATCTGTGTTTTTTAGTATCAATTTGAGAAGGTGACAAATCCAAATCCAGGTAGATCTTCTATCTCAAG
GGATGTAAACTATTCCTTGTTTTTCTTAACTATGGCCTTTTCTGACTTTGGCATGGACCATATCACATTGGC
TGTATACATTTTCTCCTTTTGTGTTTTGTCATAGAGACTGTCACCTTCTCAATAGTAAACGGTTGTTTTTCTGGTT
TATTTGGAATATTGGGCTGTTTGGTGAACCGTGATGGAATGAGTTTGAATGTAATATACTCGAAAACCTCTAT
GTTTGGATTAGGTGTATTGGGCTTGATTTGTAATACTAACTTATTCCATTCTGACAGTTTTCAATCCAAAAAGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12225NM_116077|Arabidopsis thaliana tRNA synthetase class II (G, H, P and S) family
protein (AT3G62120) mRNA, complete cds

CGATTGGTGTGATGGTTATGGTTCATGGGGATGACAAAGGATTGGTGCTGCCTCCTAAAGTTGCGTCGGTTCA
AGTTATTATAGTCCCTGTACCTTACAAAGATGCAGACACTCAAGGAATTTTGTGCTTGTTCTGCCACTTTGG
ATACATTGACAGACGCAGGTATTCGTGCAGAGGTAGACTCTAGGGATAATTATTCTCCTGGATGGAAGTACTC
TCACTGGGAAATGAAAGGCGTTCCACTCAGGATTGAAATAGGACCAAGGACTTAACAAACAATCAGGTGCG
TGCTGTTGCGCGGGATAATTCGGCAAAAAAAGACATACCCAGGGATTGTTGGTAAACAAGTGAAAGAAT
TGCTAGAAAAGTATTCAACAAAGCCTGTTTGATGCGGCAAAAGTAAACGAGATACATGCATTCAAGTTATTAA
TACATGGGAGGAGTTTACTGAAGCCCTCAGTCAAAAAAATGATATTGGCTCCATGGTGTGATGAAGAGGA
GGTTGAGAAGGATGTGAAAACAAGGACCAAGGGTGAGATGGGAGCAGCTAAAACCTTATGTTCTCCATTGCA
CCAGCCCGCTCTTCCAAAAGGTACCAAATGCTTTGCATCTGGAAAACCTGCAAAAAAATGGAGCTATTGGGGC
CGAAGCTACTAACTATCAGCTCATGTTTATATCCTATGTTGCCATTGGATACATCAAGAAGTCAGCTTTGAG
AGTTATTGAATAAAGGGGCATTAAATTCAGTTAATTCGAGTTCATCAGTACTTCTAAGAGGACGCACTCTTAC
ACGATGAAAAAAGCATTTCAGTTAGCAAGAGTTAACTATAGAACACTTTACTTTGTTTGCATGCTTGGATTT
ATTCTTTTTGAAAATTTCTGGGTTTTGCTTTCAAACTTTTTTTTTCTTTCTAAAGTATATTGGAGGTAAGGGCA
TGTTCTGTTTAAAGTGATAGTTGGATTTGTTGGCTTGAATAATTCAAGCAAGGAAAGCATTTTGTGAGCATCA
ATTGAACTTACTTGACTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCC
CCCAAAAACTAAAACACCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCGGGGCCCCCCCCCCCCCAAGGGGGGGCCGA
AAACCCCCCCCCCGGGGGCCGCGTTTACCCCCGCGGGGGGGGAAACCCCGGGGGCCCCCAACTAACCC
CCCGGGCACCCCCCCCCCTTCCCCCGGGGGGGGAAAAACAAAAGCCCCCCCCCGCCCCCCCCCAACG
GGGGCCCCCCCCGAGGGGCGAGGGGGCCCCCCCCGAGCCGCCCAAAAGCGGGGGGGGGGGGGGGGGT
ACCCCGCGGGGGGGCCCCACCCGTGGCCGGCCCCAACCCCCCCCCCTTCGTTTCCCCCTCCCTTCCCCC

>trans_s_12226HQ444960|Cucumis sativus S-adenosyl-L-homocysteine hydrolase mRNA, complete cds

>trans_s_12227EU376000|Gossypium hirsutum beta-tubulin 16 mRNA, complete cds

AGATTTCTCTTCACTCTCTCTCCCTCTCTGTCCCTACAAACCTCATTTCATTTCTCTCCATCCCCCAATTCCTTC
TCCCAAAATGAGAGAAATCCTTCATGTTCAAGGTGGCCAATGTGGTAACCAGATCGGTGCTAAGTTCTGGGAA
GTTGTTTGTGCCGAGCATGGCATTGACACTACCGGAAAGTACCAGGGAGATTCCGATCTTCAGCTTGAGAGG
ATCAATGTTTACTACAATGAAGCCAGTTGTGGTAGGTATGTACCTCGTGCCGTTCTTATGGATCTTGAGCCTGG
TACTATGGATAGTATCAGATCTGGCCTTTATGGACAGATCTTTAGGCCCGATAACTTTGTTTTTGGTCAATCTG
GTGCTGGAACAACACTGGGCTAAAGGTCATTACACTGAAGGTGCTGAACTTATTGATTCCGTTCTCGATGTTGT
ACGCAAGGAGGCCGAGAATTGTGATTGCTTGCAAGGGTTTCAGGTGTGCCACTCTCTAGGAGGAGGAACTGG
ATCTGGAATGGGAACCTCTTTTGATTCCAAGATTAGAGAAGAATACCCCGACAGGATGATGCTTACCTTCTCTG
TCTTTCATCTCCCAAAGTGCTGATACTGTTGTTGAACCTTACAACGCTACTCTATCAGTTCATCAACTAGTTG
AAAATGCAGATGAGTGCATGGTCTTGACAACGAAGCTCTTTATGATATCTGCTTCCGTA CTCTCAAGCTCACC
ACTCCAAGCTTTGGTGATTGTAACCATTTGATCTCTGCAACAATGTCCGGTGTGACTTGCTGTTTGAGATTCCC
GGGACAACCTCAACTCCGATCTCAGAAAGCTAGCCGTTAATCTCATTCCATTCCCTCGTCTCCACTTTTTCATGGT
GGGTTTTGCTCCTCTCACATCTCGTGGTCCCAGCAATACAGAGCTCTGACTGTTCCCGAGCTTACCCAACAAA
TGTGGGATGCCAAGAACATGATGTGTGCTGCTGACCCACGACACGGACGCTACTTAACCGCCTCTGCTATGTT

TAGAGGGAAGATGAGTACTAAGGAAGTAGATGAACAAATGCTCAATGTGCAAAACAAAACTCTTCTTACTTC
GTTGAGTGGATTCCAAACAATGTCAAGTCGACTGTTTGTGATATCCCTCCAAGTGGTTTGAAGATGGCATCTAC
CTTCATTGGAAATCCACATCAATTCAGGAAATGTTCCGCCGTGTGAGCGAGCAATTCAGTCCATGTTTACAG
GAAAAGCCTTCTTGCAATTGGTACACAGGAGAAGGAATGGACGAGATGGAGTTCAGTGAAGCTGAAAGTAACA
TGAATGATCTTGTCTGAGTACCAGCAGTACCAAGACGCCACAGCCGAAGATGAGTATTACGAAGAAGAAG
ATGATGACGTTGAAGATAATGTGTAAGAAGAAGATAGTATAATGATGGGGTTTTATGAATGATGTTTGTAGG
GATGTAATATGTTGCAACTCTTGCAACTATCTGTTGCCAGTCATGTGGATTTGTCTATTTTTCTGTTGTCTTTAT
TATGTGCTTGACTTTTGAAGTATTTGTCTTCGGACAGTTGAATTTTAACTACATAATATGAATTTTGTTCG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12228DQ013361|Lotus corniculatus var. japonicus geranylgeranyl hydrogenase (GGH)
mRNA, complete cds

AAATGTGAATCCCTTATTAGTAATTATAATTTAAAAATTTAAAAACGAAAAAGGGTATCCTAAGAATCCAGT
ACAATTATCCATTTCTCATATCCACCGTCCATTCTCTCCATCCAACGGCTAACAATACTCATATCTCAAACCATA
TCCATTAAATATATAAAAAATCACACAACGATGCTCCCCACAGCCATTACTCAACTCCAGCTTCACTCCTTGCTG
CTCCGACGAAATGGCCTCCGTTGCCCTCAAATCCTTACCCGGCCTCCGACAATCTTGAAGGAGAAGCCCCATT
TCATTACCCAAACGAAGGCCAACCCAAACCCCAATTTGGCGCGCGTTTTATGTCGCCGCTGCGAAAACTAGT
CCTAAAATCGCCGGTCGGAACCTCAGAGTTGCGGTGGTTGGCGGCGGTCTGCTGGAGGATCAGCAGCTGAA
ACTCTCGCCAGAGGCGGCGTTGAGACTTTTTGTTGAGAGAAAAGCTTGACAAGCTGCAAGCCCTGCGGTGGTG
CGATTCTCTGTGTATGGTGGGTGAATTCGATCTTCCGTTGGACTTGATCGACCGTCGTGTACGAAGATGAA
GATGATATCTCCATCGAACGTCGCAGTCGACATTGGCCAAACCTTAAACCTCATGAGTACATTGGGATGGTT
CGGCGGGAGGTTCTGGACGCGTATCTCGAAATCGAGCCGCTGAGAATGGAGCTAATGTGATTAATGGCTTG
GTCATGAAATTGGAATCTCCGAAGGATCAAAATGCACCGTATGTTCTTCATTACACTGCGTACGACGGGAAGG
TAGGAGGTGTCGGAGAGAAGAAGACATTGGAGGTGACGCCGTGATCGGTGCGGACGGAGCTAATTCTCGT
GTTGCTAAGGCCATTGACGCCGGCGATTACGATTACGCCATAGCATTTCAGGAGAGAATCAAAATCCCAGATG
ACAAATGGTATACTACGAGAATCTTGAGAGATGTACGTAGGTGACGACGTGTCGCCAGATTTCTACGGTTG
GGTGTTCCTCCAAAATGCGACCATGTGCGGGTCGGGACCGGCACGGTGACTCACAAAGCCGATATAAAGAAATT
TCAAATCGCCACACGAAACAGAGCAAAGGACAAGATCTTAGGAGGGAAGATCATCCGAGTTGAAGCACATCC
AATCCCAGAGCACCTCGTCCCCGACGTCTAGCCGGGAGAGTAGCACTCGTCGGGGATGCAGCTGGGTACGT
GACGAAATGCTCCGGCGAGGGGATATATTCGCAGCTAAGAGCGGGAGAATGTGCGCAGAGGCAATCGTTG
AAGGATCGGAGAATGGGAAGAGAATGGTGGAGGAATCTGACTTGAGGAAGTACTTAGAGAAATGGGATAA
AACGTAAGTGGCCGACTTATAAGGTGCTGGATGTGTTGCAGAAGGTGTTTTACCGGTGCAATCCGGCAAGGGA
AGCTTTTGTGGAGATGTGCGCCGACGAGTATGTGCAGAAGATGACATTCGACAGTTATTTGTATAAGAGAGT
GGTTCCTGGGAATCCATTGGAGGACTTGAAATTGGCTGTGAATACCATTGGAAGCTTGGTGAGAGCTAATGCT
TTGAAGAGGGAGATGGAGAAAGTTAGTTTATGAGAAAAATCAAATCTTTAATTTCCC

>trans_s_12229NM_178968|Arabidopsis thaliana UBQ10 (POLYUBIQUITIN 10); protein binding
(UBQ10) mRNA, complete cds

TTGAATTTCTCTTCTCATCTCTGTCGTAGCAAACCAAATCGATTTCTTCAAAGATGCAAATCTTCGTTAAGACCC
TTACAGGCAAGACCATCACCTTGAGGTGGAGTCTTCGACACCATCGACAACGTCAAGGCCAAAATCCAGGA
TAAGGAAGGGATTCCCCCGGATCAGCAACGATTGATCTTCGCCGGCAAGCAACTGAGGATGGCCGAAGTCT
TGCCGACTACAACATTCAGAAAGAGTCAACTCTTACCTTGTCTAAGGCTTCGTGGTGGCATGCAGATCTTTG
TAAAAACACTTACCGAAAGACGATCACCTTGAGGTGGAGTCTTCGACACTATTGACAACGTTAAAGCCAA
GATTCAGGATAAGGAAGGAATCCCCCGGACAGCAACGTCTCATCTTCGCTGGAAAGCAACTTGAGGACGG

CCGAACCCTTGCCGATTACAATATACAGAAGGAATCTACTCTCCACCTCGTGCTCCGGCTCCGTGGTGGCATGC
AAATTTTTGTCAAGACTCTTACCGGAAAGACTATCACCTCGAGGTGGAGTCCTCCGATACCATTGATAACGTC
AAGGCCAAGATCCAGGATAAGGAAGGTATCCCCCAGACCAGCAAAGACTTATCTTCGCCGAAAGCAGTTG
GAGGATGGACGAACTCTTGCTGATTACAACATCCAGAAGGAATCTACTCTTCATCTTGCTCTCCGACTCCGTGG
TGGTATGCAAATTTTTGTCAAACTCTCACCGGGAAGACCATCACCTGGAGGTTGAGTCTTCTGACACAATTG
ACAACGTGAAGGCTAAGATTCAAGACAAGGAAGGCATTCCCCCAGACCAGCAGAGACTTATCTTCGCTGGGA
AACAGTTGGAAGATGGCCGAACTCTTGCAAGATTACAACATCCAGAAGGAGTCGACCCTCCATCTTGTGTTGCG
TCTCCGTGGTGGTATGCAGATATTCGTCAAGACTTTGACTGGGAAGACAATTACCCTCGAGGTGAGAGCTCC
GATACCATTGACAACGTTAAGGCCAAAATTCAAGATAAGGAAGGCATTCCCCCAGACCAGCAGAGGTTAATCT
TCGCCGAAAGCAGCTGGAGGATGGAAGGACTCTTGCTGACTACAACATTCAAAGGAGTCCACCCTTACCT
TGTTCTCCGTCTGAGGGGAGGAATGCAGATCTTCGTTAAGACCTTGACTGGAAAGACCATCACTTTGGAGGTG
GAGAGTTCTGATACAATCGACAACGTGAAAGCAAAAATTCAAGACAAGGAGGGAATTCCACCAGACCAGCAG
AGGTTGATCTTTGCCGGGAAACAGCTTGAAGATGGAAGGACCCTTGCTGATTATAACATTCACTAGGAGTCGA
CCCTTACCTTGTCTTCGTCTCCGTGGTGGCTTCTAAATCGTTCTTCTGAAAGTCGGAATAATTTGGGTTGCGTG
GTTGGCCATGTTGCGGCCATGTGGATGAATTTGGGATCTTCTTTGTTCTTCTTTTCTCACTTTAGTATGT
TTCTAAATGTTCTCTCTCAAGTTGGAATTGGGAGAACATTATATTCTATATGATGATATGTATGATATTAGT
GGTTTCTGATAAATAAATTGAAAGTTCTTCTCTGAAAAAA

>trans_s_12230NM_001060814|Oryza sativa Japonica Group Os04g0679200 (Os04g0679200)
mRNA, complete cds

AATTCGAGCCAAAAGACTCCACAGCGCCGCAATCTTTGTCAAACCAAAAAGGGGAAGAAAATTCTTTACA
GCAAAATCTCTTGATCGTCTCTTCTTCTTGAATGGGAACCATTGGCTGCAACCACAGATCCCTCTATTTTCTG
TGGTGCACTTTGCTTCAAAAAATGATCATCGGTTAGGGACGATCCCTTTTCACTATCGTGGTCTATTTTCTGTG
AATTGGAGAGAGAGAAGGCTTAAGCCTTCGATGGAGTATTGATTTTTGTTCTACAGCAGAATTTTACAGAAT
TACGGCCCCAAGTATGAGTTGCACCTGCTTCGGTTCCTCTACTTTGGAGAAGAAACGAATCTCTATACGTGCTG
ATAAGGAATTGGACATCGACTTGCTGAGAATGTAAAACAAATCTCCTTCAATGAACTAAGATCTGCTTCGGA
CGATTTCCATTGAGCAATAGAATTGGACGAGGAGGTTTTGGAAGTGTTCACAGGGGCACATTAAGGAATGG
CGTACAGGTTGCGATAAAGAACTCTCTATAGAGTCTAAGCAAGGCGCTCGCGAATTTTGAAGTACGATCAAA
ACCATTTCAAATATTAGGCATCCTAACCTTGTTGAGTTGATTGGATGCTGTTCTCAAAAAGCTAACCGGATCTT
GGTATATGAATATCTGGAACAACAGTCTCGACCATGCTTTGTTAGATCCTAAAAACAAGCGTCCACCTG
GATTGGGGGAAGAGGTCCTCTATTTGCATTGGTACTGCTAGGGGTCTTCAATTTCTTACGAGGAAGCCGTTT
CACATATTGTGCATAGAGACATCAAGGCTAGTAATATACTCCTTGATAAAGACTTCAACCCGAAAATTGGTGA
CTTTGGATTAGCCAACTTTTCCAGATGATATTACTCACATTAGCACAGAATTGCAGGAACAACCTGGTTATT
TGGCTCCAGAGTATGCATTGGGAGGTCAACTAACTCTGAAGGCTGATGTGTATAGCTTTGGAGTCCCTATCCT
TGAAATTGTTAGTGGTAAACGTAGCAGTACAGTTTTTGGGGTAGAAATATCAGTACTCTTGCTGGGAAGGGTG
TGGGAGTTATACGAAGAAGGAAAACCTTGATATAGTGGATCCAGACTAGGAGATTACCCTCAGGAAGAA
GTGCTTAGGTACATGAAAGTGGCTCTTTTTGCACACAAGCAGCTGCAAATCGACGGCCAGCAATGAGCCAAG
TCATTGACATGCTCACAAAGAATATCAAGCTGAATGAGAAGCTACTTACTGCCCCGGGGTTCTACGGAGGCTT
GGGACTAGTGACATTCCTCAGTGAGCAAGAAGACCTCGAACGCTTCCACTAGCAACGAGATGAGCTTTGC
AGGCATCTCCATAACTAAAATCACTCCCAGATGAAGAAGATTGAAGTTCAAGACTTAGGCAGATTATAAAGG
TTGAGTTCATGAGTATTAGTTAGTTTGAATTTGGTTGGAGCATCTCATTGTTAAAATTGGGTAAATAGTAGACT
TTATTTTGTGGGGGTATCGAGTTGCATACACAAGTTGCAACCTCATGATCTTTTATCAACTGGTATGATGTTA
ATACAATTCATATTTTACCATTGAAATGAATGTTCCCATG

>trans_s_12231NM_117073|Arabidopsis thaliana hydrolase, alpha/beta fold family protein (AT4G10050) mRNA, complete cds

TTTTGGTTTGTAATCTGAAATCCGTTCCATCGTACCTATCGTTTCGTTTTGTAAACCGAACAAATCAATTGATCT
TGAAGCAATCGACCAATCGCTCAATGGAATTATCATCTTCTAATCTCGGCTCCCTTCCCGAAGATGTTTCTGAA
GATCAAGGACTACCACAAAGGAATCTTATATCGGTCTTCGTTCCAAGCCTCAGCGCTCTAAGAATATATATTT
TTCACAGAAATACTTGCCCCAAGATTGGCTTGGGTATTTGACCGAGAGGATGATATTTCCATTCCAAACTCAA
ATGAGGTCTTTCATGTCTACATGGCTGGAAAGGAAGGGCCAGTTGTATTTGTCTGCATGGAGGAGGCTATTC
TGGGCTTTCTTTTGTCTCTATCAGCTGGTATTATAAAGAAAAAGGCTAGAGTAGTTGCAATGGACTTCAGAGGA
CATGGTAAATCATCTTCTGAGAATGATCTTGACTTATCAATTGAGACTATGTGCAATGATGTTGTCGAGTTAT
AAAGACCATGTATGGAGATTCACCTCCTGCAATCGTGCTTGTTGGTCACAGTATGGGAGGTTGCGTTGCTGTA
CATGTTGCTGCCAAGAGAGCATTACCTAGCCTAGCTGGTTTAGTGTTGTGGACGTTGTGGAGGGAAGTCC
ATGGCTTCATTGATTCATATGCAAAAAATTTATCCAACAGGACGAAACATTTTCTAGTGTTGAGAAAGCGAT
TGAATGGAGCGTAAAAAGAGGTTTCGATGAGGAATATCGAATCTGCCCGTGTATCAATCCCTCTACACTCACA
TACGATGATTCAAAGAAATGCTATACTTACCGAGCAAACTGGAGAAAACGGAACAGTATTGGAAGAGCTGG
TATGAGGGGCTTCTGAAAAGTTTCTTTCATGTTCTGTTCCAAAGCTTTTCTTCTAGCGGGAGCTGACAGATT
GGACAAAACACTAACAATTGGTCAAATGCAAGGGAAGTTTCAGATGGTGGTAGTCAGGAACACTGGCCATGC
TATTCAGGAAGATACACCAGAAGAGTTCTCAAGTCTGATACTAAATTTCTTCTCGCAATCGGATAGGTCCAA
ATGGCGTTGAGATACCGGGAATTTGCAAACTGCAACATTAGCAACCTTCAAATGAGAACAGGAGAAAAAGAT
CATTTGCAGTTTCTCCTCCAGCATAGAACTGAACTAGATGATGAGTAAACCATGTTCTAAACACGGTAGTTGC
TTCGGAGTAAAGCTAGTTGTTAGCATACTTTTCTTAAAGTGTCATCCACCCGACTCGCAAGAATTGAAGTCAAA
TAAAGCAGTGTGAAATTGCTTTTCTCAGCTTGTTGTGATGAAGGACTGTAAATAAGACCCTATCAAAGTATGCA
TTACAACCTTATTAATAATTGATGAAGCTACTACTTTTAGATAACTACGAACCATAATATAGAAGAAGGCATATT
ATAAATGGAGTACTACAAGCTTTTCTGTTGTGGCATAACTCAACCGCAATTGCTGATTCAAGAAAGCTACTACTT
AGCTTTTACAAATTTACGTAGTATAGACCATCCATGTCTCACTTAGTTTTACTGATATCAACTATGTTTTTTTAGT
ACAACAATTTAGATGTTGGGAAAGTAAACCTTTT

>trans_s_12232AJ875407|Glycine max mRNA for N-rich protein (nrp gene)

CATTTTCTCATTACACTTGCTTCCACTTCTATTTTCTTCATTTTCCCATCTGGGTTTTTTATTTTTCTGAGTTTTCG
GGTGTTTTCTGAGGTTGGTTTGTTTAGACATGGAGAATAACCCCCAATCGTTCAGGCAATTCAGCGATCAGCTT
CGAGTGCAAACTGGGAATCTCGCCAACCTGTCGCTTAACGATTCTATCTGGAGCAATTCGTATGTCTCGAAGA
AGCCTGAGGAGAGGAGGAATTCGATGTAAGAAATGGTGGAGAGGTAAATTCCTTGAATAATTTTAAGCCTA
AAGTCTCTGATTCTGATGTTAATCGGTTCAATGATGGATGGAATAGTTTTAAGCCGAGTGTTGCTTCTGATCTT
AATAACTGGAGTAATACCAGCAATAGTATGAATATGAGTTCAACTGGGTATGAAAAGAATGCACTCAATGTGT
TTGATAATGGGTGGAATAGTTTCAAGTCAAAGGGGTCTGATTTAATGCCTTCAATGATGGTTGGAAGCTTAA
TTCTGCTAATATGGGGTGGATCCTGTGATTGGAGGAGCTCAAAGGGTATTAATGGAGGCTTTAACAAAGG
GGTTTACTCGAAAATTGGGAATTTTAACAGTAACAGTTTTGTAAATCTGAAGAACTACAAGAACAGTGGGAAG
GTTGAAGAAGAAAAAGGAGGAAAGACTGGGAAGAAGAACAGTAACAAGAACAACAGTGGTGAAAATAACA
ATGATAATAAGGAAGCTAATAAGAATGGTTTGGACAAGAGGTTCAAGACCCTTCCCCCTTCAGAGTCTTTGCC
CAGAAATGAAACAATTGGTGGATATATCTTTGTCTGTAACAATGATACTATGCAAGAGAATCTCAAGAGGCAG
CTTTTTGGTTTACCTCCAAGATACAGAGATTCAGTCAGGGCCATCACTCCTGGGTTGCCTATTTTCTTTACAAC
TATTCTACCCATCAACTCCATGGAATCTTTGAGGCTGCAAGCTTTGGAGGAACGAACATTGATCCAAGTGCCTG
GGAAGACAAGAAGACTCCTGGCGAATCTCGTTTCCCGGCGCAGGTAAGAATTGTGACTAGGAAGATATGTGA
TCCTCTGGAAGAGGACTCTTTTAGACCAATTTCTCACCATACGATGGCCCCAAGTTTCGGCTCGAACTCAACA
TTCCAGAGGCACCTTCTCTGCTGGATATATTTGGAGAACAATCCTCCTGAACACTAGAACGTGCTCATACACTA

GACAGAGACATATACAACATAAGTACACAAAACAATCTATAGTATGGCCAACGAACGATTACAACGGTTGAA
AGAATGCATTGGTGAGTTTTGGGAGTTTGAAGAATCATCATCATCATCATCATCATGTCCTTTTAAGCTATAA
ATATGTTTGTCTTTGTCTGGTGTGGCTAATGTGAATGAACAAGTGTTCAAAACAGTACTTTGGAAGTTAAT
GTAACAATAAATGAACATATATTGTAATGTTTTATGTTCTGGATACTGTATGGGGTTACATTATAGGGAGATGA
ACTTGTGTTGCTCTAAAAGTTTTAACCTGAAATGGAATAACAGAACAATGATGATGGAGTATTGAATTGTGTT
ACATATTTTGCTCAAGTCTTGTAAGGTGGAGGACGGGGG

>trans_s_12233XM_002890248|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal
domain-containing protein, mRNA

GTTCAATGGAAAGCTTTCTTTGATGATATTACAGATTGGTTTGCAACAACCGTACTGTATCTACCTCGAATCCT
TTACTACTCAAAGGACATGTTGGGACCTAAATTTTTGGCAAAGAGTAGTCCCCATAAGGTCAAAGTTATTATTT
TTTCAGCAACTGGAGAACGTGCTGCACCATTCATTCGCCAACTGCAAAGAACAACCTGGGATTCAGTTTCATTT
GCCTTTGTGCTATGGCGAGAAGAGGACTCATCCATCTGGTTGGACGCGTTTGGGGTGGAACTTGCACCTGCTA
TGGTATTCTTGAAAGATCCAGGAATGAAGCCTATTGTGTACCATGGTTCTGTCAATAGGTCCTCGTTTGTACAG
CTCATTGAACAGAATAAGCAACAAGAGCTTCCTCAATTAAGAAGTCGGACATCAATGGAGCTGGGATGTGAT
GCTCGTGGTTATTCTCGTGTGGATCTGACACATTAACATGGTACTGTGCAATTGTAGCTGGAAGGCTTGGTG
CAGAACTCAACAAAATGCGTGAAACAATGCGCAGGGTTAAAGAACTTTAACTAGTTATGAAGCTTATGGAG
CCGATGAAGACCCAAGGATATTTCCAGCTGTAGCCGCACCTCAAAGCAAACGTTTGTCTTCACTTGGCTTGAC
GGTGAAGCCCAGAAGAAATATTGTTCTTTTACATTAGCTCTGAATCTAGCTATGAACTTGTGGACCAATGAG
AGATCTCAGTGACGTGCCTCGATTATTTATTGTGCGGTACAAAAGGGATGCTACTAAAGCTAAGGAGATGAA
GCCAAGAAGTATGTTTGATACATCATCTGATGATCCGGATCTTGCCGCACAGCTTGTGGCTCTTTACAATGGTT
CATCTGAACTTCAGAGATTGCTCAATGGGTCTCAAAAATAATCGAGGATGGTGATTCAAGGGATCTGCCCTT
TTATAGAGTGAAAGCTCCTGAACCTGTTTCATGAAGATCCGGAGCTTATGAGTTTTGGAAGTGGTGGGAGTAGT
TTTATTACCAATGTGTTGAAGAGGATTGAGCACATCAAAGTTGGAATCTATGACCGTCTAGACGACCCAAGGA
TTGGTCCAGTCTTGTTTCTTGCATCATTATTGTCTTTCGGGACAATATGGCTACGGAAGTCTCAACCCACTCCCC
CATCTCGACCAGCTAGGCAACCGGACCCCCCAAGTGAATCTACTCAACCAAGTCAACCACTACTAAGGAAGG
AAGCAAACCCAGAAGAAGAAACCGGTGAGAACCGCATCAAACGCTGACGTACCTCCTTCCATAACCGACTTT
GAGCCTCCAAATGCTTATCAGATGCATCTTTCGGGTTCTGATTCTGAATAGTTGGAGCTGGAAGGGTATATTC
AGTTCCTCATAGATATAAACTATAGACTGATAAATCATTATTCATCCACAGCTCTATAGCATTATTTATTGCAA
CTTTCGGTGTTTATTAAGATGATTTGGCTGTTGACTATTACTGCGACGAAATGGGGGACTCAATCCCTCTGCT
TAAGCAGGTTGGAGGAGGAGCTCTCCCACCATCACCATGTACTTCATTGATTCACAGGTAGAACTCAAATTT
TAGTGAGCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12234DQ224373|Glycine max triosephosphate isomerase mRNA, complete cds

ATTTTTGAAATTATTATCCTCAAGTTCGAGACTTTTAACTTTGTCGTCGTCGTGCTCATTGCTCCCAGAAATCCG
AGGAAAAATGGGCAGAAAATTCTTCGTCGGCGGCAACTGGAAATGTAACGGAACAACCGAGGAGGTGAAGA
AAATCATCACCGTGTTGAATGATGCTCATGTTCTTCAGGAGATGTTGTAGATGTTGTTGTGAGCCACCTTTC
GTGTTTCTTCCCCTGGTCCAGAGTTTGTGCGATCTGATTTTCATGTTGCAGCTCAGAACTGTTGGGTTCGTAA
GGGTGGTGCTTTTACTGGAGAAGTTAGTGCTGAGATGCTTGCCAATTTGGGAGTTCCATGGGTGATTATTGGC
CATTCTGAAAGAAGACTTATTTTGAACGAGTCGAGTGCGTTTATTGGAGATAAAGTTGCATATGCCCTTTCTCA
AGGACTTAAAGTTATTGCTTGTGTTGGAGAGACTCTTGAGCAAAGGGAATCAGGATCAACAATTGATGTTGTT
TCTGCACAACTAAAGCAATTGCTGATAAAATCTCCAGCTGGGACAATGTTGTTTTGGCTTACGAGCCAGTTTG
GGCAATTGGAACAGGGAAAAGTTGCAACTCCTGCTCAGGCTCAGGAAGTTCATGCTGAATTAAGGAAATGGCT
TCACAACAATGTTAGTGCTGAAGTTGCTGAATCTGTTAGAATTATATATGGAGGTTCTGTAAATGGTTCAAAC

GCAAAGAGTTGGCCGGACAACCTGATTGGACGGATTTTGGTCGGTGGAGCTTCGCTAAAGCCGGAGTTCTG
TGGATATTATCAACTCTGCATTGTGAAGAAACCGCTCAGACATCTTGACAAGGGCGAGACATAAATAACGGTT
CCTCTGTTTTAGTTAACTGATTGAGGTACCCACTAGTTATGTAAGAGAAGCATTGTTTGCTTGAGAAATTTG
AAATTCCTGTTTGGAATGATTTCTGTTTCATGCTCTTGAAATAAGGAAATTTGTTGTGGATACTCAGAACAC
ATGAATGATAATCCACAATTTGAGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTATAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGC
CCCGCCCCCATTCCCCCAAAGGGGGTAAATAACCCGCCCCCGGGCCCTTTTTAAACCCCCGGGAG
GGAAAAACCCCGGGGTTCCCCAATTAATCCCTTTGAAACAACCCCCCTTTCCCAGGGGGGAAAAAAA
AAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTCCCAAAATTTCCCCCCCCAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCCCC
CAATAAACCCCGGGGGGGGGGGGTTACCCCCAAGGGGACCCCTACCTTTGCCGCCCCCAAGCCCCCCC
CTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTCCCCCTTTTGCCGGTTTTCCCGTAAAGTTTAAACGGGGGCCCCCTTT
GGGTCCAAATTTGGGTTTTCGGCCCCCCCCCCCCCAAAAT

>trans_s_12235BT023463|Arabidopsis thaliana At1g02260 gene, complete cds

AAATTTGTCATCGTTTCAAGCTAAATAGCAGATTGGCTTGGATGAGTAGGTGATTCAAGATACTGAGGTA
GTGGTGCGGTAAAGACATTTGAAATAAAATCCAGTCAATCAGGTTCAAAGCTGACTCAAGTTGAATCTGATTG
CAAACATGGCCATGGATCATACTGTAAAGTCATTCTAGGCTCGATTGCCTTCGCAGTCTTCTGGTTATTAGCT
GTTTTCCCTGCTATCCCATTTCTACCAATTGGGAGAACAGCAGGTTCTATACTAGGGGCAATGCTCATGGTCAT
ATTCGAGTCCTAACTCCAGAACAAGCATATGCAGCCATCGATCTCCAATACTTGGTCTTCTGTTTGGAACAA
TGGTAGTTAGTGTTATCCTGAAAGAGCTGATATGTTCAAGTATTTGGGGAAGGTGCTGTCGTGGAAGAGTA
GAGGAGCAAAGGATTTAATTTGTCGAGTGTGTCTGATATCTGCAATTTCAAGTGCATTTTCACTAATGACACC
TCGTGTGTGGTTTTGACTGAATTTGTTTTAAAAATTGCCAGGCAACATAATCTTCTCCCCGTCCTTCTTCTT
GCACTTGCATCAAGTGCAAATATTGGTTCTTCAGCAACACCAATTGGCAACCCCCAAAATTTGGTCATAGCTGT
CCAGAGTAAAATTCCTTTTGGGCAATTTGTGATTGGAATACTCCAGCTATGCTTGTTGGTGTGTTGTAAATG
CTTTAATTATTCTTATCCTATATTGGAACTGTTATCTGTCCAGAAGGATGAAGAAGATCCATCACCAGAAGTT
ATTGCCGATGAAGATGTTCTTCTCACAGATTTTACCAGCCAGATTATCACACTCACAAATCCATCCCTTAAT
TCTGCAGAATGGGATTCTCGATTGGATTCAATGAACGCACAAAGTCTCCATGCTCAAATGCAAATGTGGAAA
CTATAAGAAATTCAGTAAGTTCAAAGATAATGAAATCCACAGGTCTCATAGTACTCTGACGGAGCCGGCAAG
AATATCCGATGCTTCAAAGAGTGGCTGCCCAATGCTTCTCCTCAGAAAAGGGAAGAAGGTTTCTTCTTAAG
AGCCTCAACTCAATGGATAAACAGAAAGAACCTGTAATTTGCAAGTCTCAGAAGGGAAGGAACATTGGAGC
ACAAAATGGCGAAGGATTGCATGGAAATCCTGTGTTTATCTTGTGACTGTAGGAATGCTTATTGCTCTATTGTT
GGGCTTGATATGTCATGGACTGCCGTGACTGCTGCACTCGCTCTTGTTGTTCTTGATTCAAGGATGCTCAGC
CATGCCTAGAAAAGGTTTCATATCACTTTTAGTTTTCTTTGTGGGATGTTTATGACGGTTGATGGATTTAACA
AAACTGGATTGCCAAGTGCTTTTTGGAATTTATGGAGCCGCATGCACAGATTGATCGTGTCTTGGGACTGT
AGTTCTTGCTCTTGTCACTGTACCTCTCAAACCTAGCTTCAAACGTGCCTACTGTTCTTCTGCTTGGAGCACG
AGTCGCTGCATCGGCTGCTGCAATTTCTCCAGCTGAAGAAAAACGGGCATGGCTTCTTTAGCTTGGATCAGT
ACTGGTGTGGAAATCTTTCATTAATAGGGT

>trans_s_12236AF297712|Prunus avium translation elongation factor 1-gamma mRNA, complete cds

ACATCTCCCTCAGCCTTCACTCTTGCTCTCGGAAGAACGCTCGCCCTCTCACAGATCTGATTTTGAAGCAAACG
TTTTTCCGCGAAGCGATGGCTCTCGTCTTGCAATCTTGGAAGACTAACAAAATGCTTTCAAGGCCTTAATAG
CTGCGGAGTACAATGGTGTCAAGGTTGATCTTCCCAGATTTTACAATGGGCGTGACCAACAAGAGTCTGA

ATATCTGAAAATGAATCCTATTGGGAAGGTTCTGTTCTGGAAACACCCGATGGTGCTATCTTTGAGAGCAAT
GCTATTACCCGCTATGTTGCTCGCTTGAAGGACAGCGGTTTATTTGGCTCTTCTCCATAGATTGTGGACATGT
TGAACAATGGATTGATTTTTCCACATTTGAAATTGATAATAATTTGTCAGTTATTTGAGGCCTAGATTCCGATA
TGCTGTTTACCATCCGGGTGTAGAGGAAACCGCTAATGCTGCCCTAAAGCGATCTTTAGGTGCTTTGAACTCCT
ACCTTGCTTCAAACACATTCTCGTTGGACACTCCGTGACACTAGCTGATATCATTCTGACATGCAATCTCTATT
TGGGATTCACCTATTTGTTGACTAAAAGCTTTACATCTGAGTTCCCCACGTTGAGAGGTAATTCTGGACATTG
GTCAATCAACCAAAATTTCAAAAAGATTTCTGGTGAGGTAAAGCAGACTGATGCTGTCCCACCACTGAAAAAC
CTGAAGAGGCTGCAGCAGCTGCCAAAGCAAAGGCTGAGCCTAAGAAACAAGAAGAGAAGCCTGCAGAACCT
GCTCAGGAGGAGGCACCGAAGCCCAAGGCCAAAAATCCCCTTGACTTGCTTCCTCTAGTTTCGATGATTTTGG
ATGATTGGAAACGACTCTACTCGAACATAAGACTAATTCCGTGAGATTGCAATCAAAGGATTCTGGGACAT
GTATGACCCAGAAGGGTACTCCCTTTGGTTCTGTGACTACAAATACAACGATGAGAATACCGTTTCATTTGTGA
CTTTGAACAAAGTTGGTGGATTCTCCAGAGAATGGATATTGCTCGGAAGTATGCCTTTGGAAAGATGCTTGT
GATCGGATCAGAGGCACCATAACAAGGTGAAGGGACTATGGCTTTTCCGTGGAAAAGAAATCCCACAATTTGT
GCTCGACGAGTGTTACGACATGGAGTTGTACGAGTGGAAGAAGGTGGATATCTCGGATGAAGCCCAGAAGG
AGAGGGTGAACCAATGATCGAAGACCAGGAACCATTTGAGGGTGAAGCTCTTTTGGATGCCAAATGCTTCA
AGTGAGAAATAGCGAGAGATTTGGTTTGTGTTGGGACCTTAGAGAACTGACTTTGAGAGTAAGGTTTCTGT
GCTTTTTTTTTTTTATTTTTATTTTTGTGGGTCGATTTTGTCTGTGCTATTTTGAAGTAGTAGATTTTGTCTCC
TTTTATTTATTTCCCGAGGCCAACTGAAACATACTCTTTTGTCTTCTATTTAAATTTTCGAGCTTTCTGTTAGCTTAT
TAAGTGATAATTTATGATTTATGATGCGTAATTTTTATTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12237BT026034|Arabidopsis thaliana At1g22070 mRNA, complete cds

AGGTTTGTAACCTCAATCGTTTCATCAAGAAACAAAACACCTGTATTTATCTTCTTCTTCTTATATGGCTCT
GGCCAAGGAATCAAGACAGTTTTGAGTTGTTCTTTTCTGAATTGAATTTGTCCCTTTCTTCTTCTTCTGCTGTGCTC
TCAACTTTCTTGTGTTAGTTATTGCTTGGAAATACAAGTTTGGCCCTGTTTTGCTTGTACCCAATCCATCTTACTC
TTATGATTGGTCAGCAGAGTATGAGCTCTTCATCAACTCAACTCTATGCTTCAAGGATGGGCATCTATGAGCCA
TTTCATCAGATCAACTCATGGCCAATAATGCATTTGGTAGTCGACTAGATACGAGCATATCACCTATTAATAA
AGTGGACGACTGTGTAGACAATAAACCCGAGTTTGTCTTTTGAATCGATGGATCATCTCGAGAGCAGTGAA
GAAATGAACAAGCCAATCGATGATAAGGTACAAAGACGTTTAGCACAAAATCGGGAAGCAGCTCGTAAAAGC
CGTATGAGGAAAAAGGTTTATGTGCAGCAGTTAGAACTAGCCGTATGAAGCTGGCACAGTTGGAGGAGGA
GCTAGAAAGAACTAGGCAACAGAAGGGTACCGGCTGCTTAGTAGACACCAGTCACTTTGGATTGAGCGGATT
GGTAAACCCAGGGATTGCCGCATTTGAGATGGAATACAATCACTGGGTTGAAGAGCAACAGAGACAGATCAA
CGAACTTAGAAAGGCGCTGCAAGTTCATACTGATATAGAAGCTCCAAATTTTAGTGAGAGCAGCTTAAAC
CATTACCACAATCTATTCTGCATGAAAGCCAAAGTTGCAAAGGCTGATGTTTTCTATTTAATGTCTGGTGTTTG
GAGATCATCGGCAGAGCGTTTTTCTCTGGATAGGTGGATTTGCCCCATCAGAACTGCTAAATGTTCTCAAGC
CATACTTCGAGCCACTAAATGAACAACAAAGAGCAGATATCCACAAGTTGCAACAGTCATCTCGGCAAGCCGA
AGATGCGCTCACTCAAGGAATGGAAAACTGCACCAGAATCTATCCCTCAGCATTGCTGGTGACCCTGTAGGA
AGCTATATTTCTCAGATGGGTGATGGAATGGAGAACTAGAAGCATTGGAGAACTCATAAGCCAGCCGAGT
GTGTGTTACTCTTTTCTTGAACAGGCAGACCATCTCAGGCAACAACTTTGAAGAGAATGTCTCACCTCCTAAC
CACGAGACAGGCAGCACAAGGCTTGCTCGCTTTGGGCGAGTACTTCCACCGTCTCCGTGTTCTTAGTTCGCTCT
GGGCCACTCGACCTCGTGAACCTGCCTAGCCATGAAAAGCTCAGGCATGTTCTATTACCATAATATTCAATAC
CACAAGGCATAGGACCTACAAGGAATGTATACTTTGCTCTTATGTAAAAAGGGATGCAAATCCTGATATA
TAAGTTCCACTGCTAGCCACGTTTTAGTAAGCAAAGTTCTTATGGTTTTCAAATGTAAATATCAATAGTTCTTA
TAATGGTGAGATGTAAGAACTTAATTGAATAATTTATATAGTAAATTATTTTTGTNAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12238EF213557|Cucumis melo NAC transcription factor (JA) mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_12239AF532627|Glycine max syntaxin mRNA, complete cds

[illegible]

CTGTTTGTGTGAAAGGGTGTGTACAACCTGCTTGTTCCTCTTTTATTTTTATTTTTATTTTTTTCCCTATTTTT
AATTATTCAATTATATTGATAAATTATTTTTCTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12240AJ278767|Nicotiana plumbaginifolia mRNA for histidinol phosphate
aminotransferase (hpa gene), cultivar Viviani

TGCCTCATTTGCTTCTTCATCCTCGTTTCATATCTATTCTCACCATTCTTTTCTTACTCGTCTTCTATTCTATTCA
GATAATGCTTCTTTAATACTCATCCCATCTTTACTAACCTAAATGCAGCTTTGAAATATACGAAATCACTGGT
ATTTTGTCAATTTCTGTACAGAGATTGATGGCTCTGATTCATATTTCAAATCCCACCCAGTGCTTGCTGAAATTC
AAGACAAACCTTCTGCTTCTGAGGCATCTTCTCGTCGATCCAATTGCTCTGTTGCAGGTAGAAGGAAGTGGG
TTGTTGCTATGACATCTCAAATTCAGCACAAACATGTTCAAGGAGACTCAACAAAGCTTGACTGGTGATTCTTTT
ATTCGTCCCCATTTGAGGAAATTGTCTCCTTATCAACCCATTCTCCCTTTTGAGGTTTTGTCAACACGTCTTGGA
AGGAAGCCTGAGGACATTATAAAATTAGATGCAAATGAAAATCCTTATGGCCCTCCCCCTGACGTTCTTGAAG
CCTTGGGAACAATGAAATCCAATATGTCTATCATGATCCTGAAAGTCGTCAATTGCGAGCAGCACTTGCCATA
GACTCTGGTCTTGAATCTGATTATATTCTTGTGGGTTGTGGCGCAGATGAACTCATTGATCTGATTATGCGATG
TGTGTTGGACCCTGGTGATAAAATTGTAGACTGCCCTCTACCTTCACGATGTATGAATTTGATGCTGCTGTTA
ATGGCGCTCTTGTCATCAAAGTTCCAAGGAAGCCAGACTTTTCTTGAATGTGGATCTCATCAAAGATGTTGTT
TGTAAGGAAAAACCTAAGTGCATATTCCTCACTTCTCCAAATAACCCAGATGGAAGTGAATTAGTGATGAAG
ATCTCTTGAAATTCTTGACCTCCCCGTACTAGTTGTTCTTGACGAAGCATATATAGAGTTTTCTCAACTGAAT
CAAAGATGCAGTGGGTGAAGAAGTATGAGAACTTGATTGTACTTCGAACGTTCAAGTAAAAGAGCAGGTTTAG
CTGGACTTCGTGTAGGATATGGAGCATTTCTTTGAGTATCATTGAATATCTTTGGCGAGCAAAGCAACCTTAC
AATGTATCTGTTGCTGCTGAAATTGCTGCATGTGCAGCATTGCAGAACCCCTCTACTTGGAGAAGGTAAAAA
ATGCCTTGGTACAAGAACGTGAGAGGTTGTATAATCTTCTAAAGGATGTGCCATTCTTAAATCCATTTCTAGT
CACTCTAATTTATCCTTTGCGAGGTGACATCGGGAAAGGATGCGAAGAAATTGAAGGAGGACCTGGCAAAA
ATGGGAGTGATGATTCGTCACTATGACAAAAAAGAGTTAAAGGCTATGTTGCGGTGACTGCCGGGAAGCCT
GAACACACTGATGCTTTGATGGACTGTCTCGATGCCTATCATAATCAGTCCATTTATTGGGAAGCTTTAGAAT
CTAAAGGATTTAAGGTTACCTCTCCGTATGACTTTGATCAAATTATTGCCACAACCTGCTGACTGTAAA

>trans_s_12241NM_001048912|Oryza sativa Japonica Group Os01g0212100 (Os01g0212100)
mRNA, complete cds

TTTCAACTGTATTATCGATTCATGAACAGGAACCTCCAGGTGATATACTTGTATTTCTCACTGGCTAAGATGAT
ATTGATGCTGCTGTTCAATTAATTGTAGAAGAAGGGCAAAATGACAGAAAGAGATCAGAATTGATCATCTTGC
CTCTGTACTCTGGGCTTTCACGTGCAGAGCAGGACCTTATCTTCTACCAACCCCCAGGGGGAAGAGGAAAGT
AGTGATTTCAACAAATATAGCAGAGACATCATTAACCTCTAGAGGTTAGATTGTGGTTTTATCAAAAACTTTT
GTATTGATTGGCATCCTTTCACTCTGTACTCGTCTGTCTGTGCAGGGAATTGTCTATGTTATTGACAGTGGGT
CTCCAAGCAGCGGTTCTACAATCCTATAACAGATATTGAAAGCCTTATTGTTGCACCTATATCAAAGGCCTCAG
CTAGACAAAGGACCGGAAGGGCTGGAAGAAATTCGACCTGGGAAGTGTTACAGACTGTATACAGAAGAATATT
TCATTAATGAAATGCCCGCTGAGGGTATTCTGAAATGCAAAGATCAAATCTTGTTACCTGCGTCATTCAAGTTG
AAAGCCCTGGGAATTGATAATATTCTAGGCTTTGATTGGCCGTCGCCTCCATCTCCTGAAGTGATGGTTCGGG
CATTAGAAGTTCTTTATTCACCTGGAGTCTTGATGATGCTAAGCTTACTTCACCAGTTGGGTTTCAAGTT
GCAGAGATTCCACTTGAGCCAATGATCTCAAAAATGATCTTAGCTTCTGGTGAACCTTGGGTGCTCAGAGGAGA
TAATGACAATAGCCGCTATACTATCAATCCAGTCCATTTGGGCTTCTAGTAGGGGAGCGCAAAAGGAGCTTGA
TGAAGCAAGGTTGCGATTTGCTGCAGCTGAGGGCGACCATGTGACTTTTCTAATGTGTACAAGGGGTTCCCT
CAATCTAATAAATCTTCCAGTGGTGTCAAGAACCTTTATCAATTACCAAGCCATGAAAAAGGTTATGGAAGT
TAGAGAACAACCTCAGAAGAATAGCACAAAGATTAGGTATCATCTTGAAATCATGTGAAAGAGATACTACGGC

CATACGCAAGGCGGTAAGTCTGGATTTTTTGTCAATGCTTGTCAATTAGAGGCATACAGCCACAATGGAATG
TACAAGACCGTCAGAGGTTCTCAAGAAGTTTATATTCATCCCTCTTCAGTGTTATTCAGAGTTAATCCAAAGTG
GGTCATATATCACTCACTCGTGTCAACTGACCGACAGTATATGCGTAATGTTGTCAACATTGATCCGGGATGGT
TAACCGAGATTGCTCCCCATTTTTACCAGCAGAGGCAGCTCAGCCATATGCCTCACTGATCCTGTATTTGGTCT
AGACTTGTTAGATTGAAGATCATGAACCGGAGAAAACACCCAAGCAGTTGGAGCAGAAGGATTCTAACTTAA
AAAGGATTATTTCTACCTTGTGACATTAAATTGAACACAGTTTTCTTTTAAAATTATTAGGCAATTGATGACTGTA
TTAA

>trans_s_12242NM_127655|Arabidopsis thaliana LIP1 (LIPOIC ACID SYNTHASE 1); lipoic acid
synthase (LIP1) mRNA, complete cds

AACCCACCCAAATTCCGGTTAGGCTTCTTCTCCGAGATCGACGACCGCGATGAACAAACGTTGCCAAAGCCTT
GCTCGAATCCTCAAATCCGTCAGTAGATCATTCTTCTTTCATCTTCTCCACCTCCGCCTCTGCCACATCTTCCC
AATCCCGCGCACGTTGGCCGGTCTCCGGGAACGACTCGCAGCGGAGTCCCCATCACTTTCCGACTTCGTTGA
TCTGCAATCTTCTGATTCTGATTCTGTGGAGGTTGGTACGAAGAAGAAGCCCTTCTAAACCTAAATGGATGA
AGGAATCGGTGCCTGGAGGCGAGAAATATGTTCAAATCAAGAAGAAGCTCCGGGAATTGAAGCTTCATACGG
TTTGTGAGGAGGCTAAATGCCCTAATTTAGGGGAATGCTGGTCTGGTGGAGAAACCGGCACTGCCACTGCTA
CGATTATGATTCTTGGTGACACTTGTACCCGTGGTTGCAGGTTCTGTAACGTGAAGACATCACGAACTCCACCT
CCACCGGATCCAAATGAGCCGACAAATGTTGCTGAAGCAATTGCATCATGGGGTTTGGATTATGTGGTCATTA
CTAGTGTGATCGCGACGATTTACCCGATCAAGGGAGTGGTCATTTTGCAGAGACTGTGCAGAACTTAAGGT
GTTGAAGCCAAATATGCTGATCGAGGCATTGGTTCCTGATTTTTCGAGGAGACTCTGGCTGTGTGGAGAAAGTT
GCAAGTCAAGGCTTGTGCTCCTTGTGCTCACAATATAGAGACAGTTGAAGAGCTTCAAGGAGCAGTTAGGGAT
CACCGTGCTAATTTCAAGCAATCATTAGACGTTCTAGTTATGGCCAAAGAGTTTTCTCCTTCTGGAACCTTTACA
AAGACTTCCATTATGTTAGGCTGTGGGGAAACACCAGATCAAGTTGTGCAAACAATGGAGAAGGTGAGAGCA
GCTGGAGTTGATGTGATGACATTTGGGCAGTATATGAGACCTTCAAACGCCATATGCCTGTATCAGAATACA
TTACTCCTGAGGCTTTTGTGAGAAGTATCAAATCTTGGCATGAAAATGGGTTTTTCGATATGTGGCATCTGGCCCA
ATGGTTAGGTCCTCATACAAGGCAGGAGAATTCTATATCAAGTCAATGATTGAATCAGATCGGGCAGCTTCTA
ATTCACAGCCTACCCAACCTTTGATTATTGTTACCATTCTATTGGTCATCTGTCCCAACAATCCCTACAAAATTT
AACCATGTTGCATGTAAGTTGACATATAAGCAAATTGGACTTTTGAATTTGATGGATTGTCCAGTCGTTTTGTC
AAATTCTTGTGCTCCTGATCCGCTGCAGATGTATTGTCACTGTAGCCATAAATTTTGTCTGACTCCTATATAAT
ATCTCCCTTCATCCTGTTCTGACTGATCAGCATAGGGGTATTACTATTCTTGTAAATATTGGAATTGGAATTTTA
TTTATTTGCTATTTGTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_12243GU169698|Vitis vinifera Bcl-2-associated athanogene-like protein mRNA, complete
cds

AGGATCTGAGAGATTTCAACTGCAGTTATCTTCAAGAGATAAATCTTCTATTCACTCAACAAACAACAAGTT
TCTGTCTCTGAATCATCATATTAATGGAGCGTCCCCATCCCTTCTTCAAAATCACTGGAAATCTTTGAACCTT
CGAATCGTTATGTGCCGAGGGTGGCGGAAATCCGGTATATCGACGTACGGTGCCGGTGGCTCCGAAGGTGG
TTCCGGTTCCTGTCCGTTTTGTCAAATCCGAAAATATCACAGTTGATTCGGCCACCAAAATTCATAAGGAGTTC
AGAGGTTTTCTGGTGCCTAAGAGCTTGAAGAAAAGTTGCGGCGATCGAGAGAGAAGTGAATGAGATAGACAG
GAGGTTTGCGAATGAAGAGACGGTCGATTTGATTCAGAAGGATGATAAGGAGAGGATTAGGTTTGGCGAGA
TATTGATGAATTTGTTGTTTAGGTTGGATTCCGGTGAAAGGCGTGATTCTGGAATTAGGAGTTTCAGGAAAGC
GGTGATCAAGAAGGCTATTGCATTACAGGAGAAGATCGACTCAATTGCAGCCGCGAATGAAGCTACTAATGT
GATTGATGAGACTCTCGAACCCGTGACTGCTGAATGTGGTTGTGAAGGTGTTGATCCGAGTTCGGAAGGAAC

TCTGAATCTCAAGGTTATAATTCCAGAGCATGACGATGATAATTCTACTGCTGGTAACGGTAATTGCGAATCTG
CTGATGATTGTGATGGTGAGAATGCCGATGGAGTACAAGCGTCAAAACCTGGAGCAATTCCTGAGGAATCTA
AAGCTTGTTCTTGAATCGAATGTTGATCCGGAAGTTCTCAAGAATCGGAGCAAGGGAAGAACTCCCCAG
AGAACGATGACACGGATCTTGAAGCGGCAATGAGTGAAGCTGAGAGTCAGACGGATTCATCAAACGACGAT
GGGGTTGCAGAATGTGGAGCTGTAGATGAAAGAGAGGGTGGTGCAAATGAAGAGGATGATAGCAGAATCA
AAGGAAGAGAGGAGGATGGGAAGAGTAGAGAGCTTCTTGAAAGGATGATGATGGACAACAAAAGAATGAT
GGAGATGATGGCGCAGCTGTTTGAAAAGAATGAAAAGCAGTCACAATTGCTATGCTCACTGTCTCATAGGGTT
GAGAGGTTAGAAAAGACACTTTTGTGTGAGATGCTGCGAAAGAAGAAGAGGAATAGTACAGACTGCTCAGA
AAAATCCCCCAAAACAAAGAAAAGTGTTCTGGAAATACAAAATGGCTTCTTCAGCATATAGAAGATGATGATG
ATGTTCTGTAAATGAAGTTTTGCGATGAGAAGTGCAACCGTGTCTAGGTCTATAATGGTAGCAATTCTAGC
AATGCAAGTTTGGAGATGACATGAAGTATATCGGTTATCAAAGTGTGTTTATGTTCTATTCAAGAAGTTTGA
AGCGATTATATTGTTTTCAATTGTTCTTTTTGTGATTGTGAATACATTTTGGGTTTCTTTTTCTTTTACAATAT
GAATATAAAATTTGAGTTTT

>trans_s_12244NM_001056811 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0390600 (Os03g0390600)
mRNA, complete cds

CATGGGACATCAAATCAAACACAGAAGATTTACACCATAAACTAAATCTAGACACAGAAAAGGCACTTTAAA
AGTTAAAAACCAAGAACATAATAATCAAGTCAATCCCTCTTAAGCCCTCTCCCCTCTAATCCTCCTTGCCAATTG
AATATCCTTAGGCATAATGGTTACCCTCTTAGCGTGAATAGCACAAAGATTCGTATCCTCAAACAAACCAACCA
AATAGGCTTCCGCCGCTCTGAAGCGCCGCAACGGCACTGCTCTGGAACCTCAGATCGGTCTTGAAATCCTG
AGCAATTTACGAACTAAACGTTGAAACGGAAGCTTCCGGATCAGAAGCTCGGTGCTCTTCTGGTACTTCCTG
ATTTACGAAGTGCGACGGTTCCAGGACGGAACGATGGGGCTTCTTCACTCCACCGGTGGCCGGAGCTGAC
TTCCTGGCGGCTTTCCTCGTGCCGAATTCGGCACGAGGCTTGAAGTCTCATCTCCGTTCTTGAAATCACAAGC
AGTTTTCCAGGAATCGATACGCGCTTGGAGAACGATGGCTTGTGCTTACAGACGCTGATTGCTGCAAATT
CATGCTCATTTCCGAGCCATAGAGCCATGAGAAAGTCGACAGAGACTCTTCAGTCAAATACTTCCAATCTAGTT
TTAACGGTCAGAGCTTCGTCTGAAGATTCCGACTGCAATGTGCGACGAATGTGCCCCGATAAAGAGGTGGGG
AAAATAAGTATGGAATGGCTAGCTGGGGAGAAAATAAGTGGTTGGGACATATCCACCGAGGAGAAAGGG
GTGGACTGGCTATGTAGAAAAGGACACTGCTGGGCAACAAACATATATTCTGTTGAACCAGTAGTTTATGTA
GCAGAAAGTGCTATAAGCTCCGGGACTGCAGGTTCTTCTTCTGAAGGGGCTGAGAACACACTGGCAATTGCT
GGTGGAATTGCACTCATTGCGGTCGCTGCAGCTTCATCTATACTGCTTCAAGTTGGTAAGAAACCACCTGAAG
TGAAGACTGTTGAATACACTGGACCCTCACTCAGTTACTATATCAATAAGTTCAATACACGAGAAATTGTCCAA
CCGGTACAAAGTGAACCCGAGTCGTCCTCTCAAGTCGACGGTGTCACTCCTGAAGTAACAGAGATTCAAAGTC
AATCAGACATTCTGCTCCTGAAGTAACGGATATTCAAGTTGAATCCCAAACGACAGCACCATCCTCTTCGGCT
GTATCCAGTGTCTCGTAGGCTAATTGAACCAAATTCGTGTGAATTTTTTTAGAGGCTATACTTCTGTATTTATC
TGTTATAACGATATTGGACCTCAGCAATTTCCCTATGAAACATGGTGTGCTGATGTGTTGTTCTGCAACCCC
ATTTTTCTTTGCTGCAGTTGGGCCAGTTAAATGTAACATAAGCTTCAAATAAACTTCATCCATCTTTCTGGT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_12245NM_001051979 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0957000 (Os01g0957000)
mRNA, complete cds

GATCAGGTGGGTGTTCTCTAAATTCAACTGAAATTTACATTTCAACCGAATGCTCCTCCTCCTGCTGCTGCTTC
TGCGGCCATTTTCACGCGGTTTGGAGTTGAAGGAGAGCTTAACGAGGGGATAGGGGTTGGGATTTTCTTTTT
CTTCCTGCTTCTTTCCCTCTCTGTTTAACACCCATGGCTCCCAGCAAGTTAATTCCTCTGGAGAAGGAACTT

TTCTAGCCCCATGGCAGAGAATGGTTTTCTAAATTCAACTTCTCTGTTAAATTCTGAGAAGGCTGTCCAGGAAC
TTCTTCAACGGTCTCCACTGATGGAGACTGATGATCACCTTGTTGAGTTTTCGGAGGCCCTGAGAACTGTTGCA
AAAGCATTAAAGAAAAGCAGCTGAGGGTAAGGCTGCTGCACAGGCCGAGGCTGCTGAATGGAAGCGCAAATT
TGAAGTGGAGAGGACAAGAAATCTTCAACTTGAGTACAAAGGTCAGTACCCACCGAACGCAATGGGTATGA
TAATAAAAGGTCAAGGAATCTGCCTCCACAAGCCACAGAGCAATCAGAGTGGTGTGTGGGTAAATGGAAT
ATGTTCTCATGAAGTTCTTCAAGACGGGGACATTGATTCTGTTTCTCAGAATGCTTCCAGAAAATATACGAGAA
AGGCATCATTTAAACTTTTCATGGTGCTGCAATGGCGATCATAGTGATAGACACAAGCATGATGTCGTCTCTTTT
GAAAAAGGAAACATAACAACCTGCAGAGCGTAGCAGTAGACAGATTTCTTTGAAATGGGAATCTCAACCTCAG
ACTGTGCTTATATTGACCAAACCAAACCTCAATATCGGGTCAATGATTTGTTTTGAGATGGTTAAATGGTTGAG
AGAATATACATCTTCAAATTTACGTTGAACCACGTGTCAAAAATGAGCTTCTGACTGAGTCGGACTACTACAAAT
TTTGTCCAGACATGAAAAAGCGACGAGGAAGTTATGGTTCTCCACACTAAAGTTGACCTTGTTGTTACTCTTGG
TGGAGATGGAACAGTGCTTTGGGCAGCATCAATGTTTAAGGGACCAGTTTCTCCGCTTGTTCCATTTTCTTTAG
GGTCTCTGGGTTTTATGACTCCTTTTTCACAGTGAGCATTATAGAGAGTGCTTGGATTCATTCTAAAGGGTCCA
ATTAGTATTACATTGCGACACCGACTGCAGTGCCATGTTATTCGAGATGCAGCAAGAAATGAATATGAAACGG
AAGAGCCTATACTTGTGCTGAACGAGGTTACAATTGATCGTGGAATATCGTCCTACCTTACCAATTTGGAATGC
TATTGTGACCGTTCCTTCGTAACATGTGTCCAAGGAGATGGACTGATTCTATCAACTACTTCTGGCAGCACCGC
ATACTCTTTGGCAGCTGGGGGATCAATGGTTCATCCTCANGTTCCCGGCATTCTATTTACACCATATGCCACA
TTCCTTGTCTTTT

>trans_s_12246Y12793|Cucumis sativus mRNA for patatin-like protein, partial

ATACTTCATATTAATAATTAATTATTCTTCATCCCTCTTGGCGTCTTCAACATCACCCTTCCAAACACCCATTCT
CTTCCATAAGCTTAAAATTGAAGAACTCACCCATATAACCCTCATTACACAAACCTCCCACAACATCTTCCATAA
GAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACTAAAAGATGAATCCTAATTTTGAGAAAGCGGAGTTCATAACAATTCTAAGCA
TCGACGGAGGTGGCGTCAAAGGCATCATCCCCGGAACCATCCTTGCTTTTCTAGAATCCAAACTTCAGGAATT
GGATGGGCCAGAAGTGAGATTAGCAGACTACTTCGACGTAATTGCGGGGACAAGTACAGGAGGATTAGTAA
CAGCTATGCTTACAGCTCCAGACAAGAACAACAACCGACCGTTGTTTGACGCGAACAAGATTTGCGGAGTT
TTACATGAAAGAGACTCCAAATATTTTCTCAAAGAAGGCATTTTCTTGGTGGAGTTTTCAATTTGTTTGGAC
AAGCCATAGGGCCTAAGTATGATGGGAAGGAGCTGAGAAGAGTGGTGAATGATTTGGTGGGAGATTTGACT
TTGAAACAAACATTGACAAATGTTGTGATTCCAGCTTTTGATATCAAGATTCTTCAACCTGTCATCTTCACCACT
AATGATGCAAAAATAAATGCATTAAGGAATCCAAGGCTGGCGGATGTGTGCTTGGCCACCTCGGCGGCGCCCC
ACGTTCTTGCCGCCCCATTTCTTTGAACTAAGGACGATGTAACAAACGCCACTCGCACTTACGACGTCATTGA
TGGTGCCATTGCAGTTAATAATCCTACATTGGCAGCCATAACACACATAAATAGGGAGATAGCAATTCATCAT
CAGAAAGAGAACTCAAGAATTAAGCAAATGATACAAGAAGGATGCTTGTTCTATCTCTAGGGACTGGATTG
GGTAAACATGAAGAGAAATATAATGCAACACAAGCATCAAATGGGGAGCTTTTAGTTGGATTTTTCAAGGT
GGTTCAACCCCATTTACTTCTTTTCTGATGCTAGTTCTGATATGGTTGATTACCATGTTTCCACTCTTTT

>trans_s_12247AF238305|Solanum tuberosum calcium homeostasis regulator CHoR1 mRNA,
complete cds

AGTTGAGAGTCGCAGCCATGTCCGTGACCTCAACTAGCACTACTTCATCTTCTCTCCACTCCAATCCCAAATCCT
TCTTCTCTCTAACCCCATTTCTCCTTCTCGCCTCTTTCTCCCCAACTATATGGCCGCCGCCGAGCTCGAATTC
GGCCGGCGCGTTCCTCATCAAGGCTTACATGGAGAATCCCAACTCTCTGTCCGGATTGCAAGTAAGGTGATC
GGATCTCTGCCCCGTGGTCGGACTGATCGCGAGAATTATGAGTGATGAAGGCGGCGTCGGCAGTGACCTTATT
GATTTTGCGGAGTTTCGGAGACGAGTTGGGAAGAAATGTACGATTATGGAGTCTAAAGCTTTCTATGAATTC
AAGAAAGAAAAGGCAAGGCAGGAGAGCCATTGTATGTTCTATTGTGCTGCTGGCTAGCAGCTGTGGGAGCTG

GTTTGCTTAAGTCAGAGGAAATTTTGAAGGAGTAGCAAGGCTTAGGATTTCAAATGATATTGAATTCGAAGA
GGAGACTTTCATTGCTATGATGAATGAGGCTAGAGAGAAACGAGAAAACTAAAAGCGGCGGTTCCAAACAT
TCCGATGGAGGTTTCGAGTCGAGAAAGCACTCGATGCCATTTATGTTTGTTTCATTTGGGAGAGACCCAATAGAG
GAAGATGATGAGAACTTTTAGTTATCATGTTGAGTGCTGTTTTTCCATCTGTTGGGGAAATTGAGATTCAAAG
GATTGTGAAAGAGAAAGCAATTAGAATTGCTGAAGGTAAGGACATTGCCATTGTTCTGAGCCGCAGCCTTTG
TCAAAGAAGCTATTTTAGCTCAAATGAAGGACCTCCAATTTCTCCAAGAGAAGAATGAGACTTGAGTCACAA
TTTAATTTGTTTGGTTGTTTGTTCATCGAGCTCGAAAGTTTGTAAAGAGTTTGAATCTTTTCTCCACGGTTTTTC
TAAGGTTGGTTGTTAATTATGGTATCTATATTATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12248NM_130077|Arabidopsis thaliana PVA12 (PLANT VAP HOMOLOG 12); structural
molecule (PVA12) mRNA, complete cds

TGCGGCACGTGTTTTGCTTCTTCTTCTTGTCTGCAGCACGTTGCCATTGTTGCTCCTCTCTTTTCTCGATCT
GTTCCCGAAACTTGCTCTCAAGCAAACCTCATTTCCAGATTCTTTTCTTCTATTATCTCTTCAATTTCTCTTCTC
CCCTCCTTGTTTTTTTATCCTGCTTCACTCTTCTCAACAATGAGTACGGGAGAACTCCTCAGCATCGAACCTC
TCGAGCTCAAGTTTCCCTTGAATTGAAGAAGCAGATCTTGTTCCTTCAATTGTCTAACAGACCGATAGC
TACGTTGCCTTTAAGGTGAAAACCTACGAACCCTAAAAAGTACTGTGTTGCGCCAAACACTGGAATTGTCTCGCC
ACGGTCAACATGCGACGTTATAGTCACCATGCAAGCCCAGAAAGAGGCTCCTGCTGATATGCAATGCAAAGA
CAAATTCCTCCTCAGAGTGTTAAACAGTTGATGGCGCTACCGCAAAGGATATCAATGCAGAAATGTTCAAT
AAGGAGGCTGGGCATGTGGTTGAGGAATTCAAATTGAAAGTCGTTTATGTTTCTCACCCCAACACCTTCTCC
AGTACCCGAAGGTTCTGAAGAAGGGTCTCCCAAGAGGTTCTGTATCGGAGAATGGAACTTCAATGATGC
TGACTTGAATACTGCTACAAGGGGATATGTTGAACGGTCGGAGCCCCAGGATAAATCTGCAGAGGCGAGAGC
CCTCATAGCAAACTAACAGAGGAAAAAGAATAATGCCATGCAACAGTACAACAACTTCGTCAGGAATTGGA
ACTATTGAAGCAGATAGCAGGAAAAATGCCAGCGGCGTCTCCTTCGTGTACGTTATATTAGTCGGATTGATC
GGAGTCATCTTGGGCTATATTATTAAGAAGACTTGAGAATCTCTATGCAGCAAACCTGGAATTTATATCATTATA
TTTTCTATGATGAAAGGAAAAAGGAATACTAATGTTCAAGTGGGTGGATCTGTAGCAAGTTTTAATTTGTTGA
AGTAGCAAATTGTTAGGTGGTGTTCAGAATTTGTAGTTGCTGAATTTGCAAGGTAGCACACAC

>trans_s_12249AJ515028|Cicer arietinum mRNA for ribosomal protein S3a (rs3a gene)

CTCTCAAACCTTCTCTGCCTTGACGATTTTCATCTGCGGAGTTAGGGCAACTCTCCTCCTCCGCCATGGCCGTC
GGCAAGAACAAGCGGATTTCAAAGGGAAAGAAGGGTGGCAAGAAGAAAGCCACCGATCCATTTGCCAAGAA
GGATTGGTATGATATCAAGGCTCCTTCAGTTTTCACTGTTAAGAATGTGCGAAAGACTCTTGTTACTCGCACCC
AGGGTACCAAGATTGCATCTGAAGGACTCAAACATAGAGTCTTCGAGATCTCGTTGGCTGATCTTCAGGAAGA
CGAAGAGCACGCATACAGAAAGATTGATTGAGAGCAGAAGATGTTCAAGGGAGGAATGTACTGACAAATTT
CTGGGGAATGAACTTCACTACCGACAAATTGAGGTCTTTAGTACGCAAGTGGCATACTTTGATTGAAGCTCAC
GTAGATGTCAAAACCACAGACAACCTACACCCTCAGAATGTTTTGCATTGGATTTACCAAGAGAAGGCCAAACC
AAGTGAAAAGGACCTGTTATGCTCAGTCGAGCCAGATCAGGCAGATCCGCCGTAAGATGAGAGAAATCATGG
TAAACCAAGCATCCTCCTGCGATTTGAAGGAATTGGTTCGCAAGTTCATTCCCGAGTCAATTGGCAAGGAGAT
TGAAAAGGCAACATCCAGTATCTACCCTCTTCAAATGTGTTTATCCGCAAAGTTAAATTTTGAAAGCACCCA
AATTTGATCTTGGGAAGTTGATGGAGGTTACGGCGACTACTCAGAAGATGTAGGCGTGAAGGTTGAGAGAC
CTGCTGACGAACTGCTGTAGAAGGGGCTACTGAAGTTGTTGGAGCTTGAGTTCTTCAGTTATGTTGAAGTTC
ATTTGAGTTGGATTAATCTGTTTTTTGTTAATTTTGGCCCCCTTTGTTAATCAAACCTATTAGTTTTAACCTG
CCTCTCAGTTTAATCAGAGAGTTGGTTTTGAGGATGGCAATTTTGTGCTATTAGTCAAAGAATACTTTCATTTTA
TTAATTTAGCAAATTGCACCGTTTTTTTCCCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12250NM_001188221|Oryza sativa Japonica Group Os07g0299600 (Os07g0299600)
mRNA, complete cds

GAACACAGCTATGTACAATTGTTGCATTGACAAAATGTGATTTTGATCCACTTATGAAATAATTATAAGTTTCA
TAAGATATTTTTCGAACAAAATTTAGATAGTGTAATTATGCACATTTTAAATTGATACAAACCCCTTTTGAAT
TTCTAGTGTCTGAAATTGAGAATTACTAATGGTTGTTTACTTGTTTCATATGATGGGCCATTGTTAGGAGGGAA
AGTAGGAGGAGTTCATTCACGGCAGAGCCCATTAATACAGAAGGAGAGGGTTCGATTTTGAATTTCAACCCA
AAAAGAAGATCAAACACACGGCTTCTGATGAATGTTCCAAGCCATCAACTGCACGCAATTTGATCTCCTTCTGG
CTCCTCCGTAATTTAGCAATGGCAGACAACGATTGAGGTGACGGTGAAGTATCTTCAGCCCAAGCAGTTCTTCT
CGGAGCTTTAGCTCCTGGGGTCAACGGTCTACATGGACTACACTCAAGTCGGCGTTTTTATGCTGGGACTG
TGTCTTGTCTGATGCTTGCCCTTGCATTCTCTCCAGTGATTCTTGTTGATTCTTCACGTTACCTTTCTTGTGG
TTATTACTTCTACCTTTTTCTTGCTACTTAACTGGTTTCTTCTCAGACTGGCCTGGTTTCACTGAAGAATCAAAT
GGAAGAACTGCAGTTGGCGCCAAAGAGTCGAGATAAAAGCGAAAAGAACGAATAATGGTTACTACTGCTATA
GCATTATAAACCAAGACGGTAAAATTGGATGATAGTAACAGAACTACATTACATCCTCGAGTAGAAACACGA
GGTGATAAGCTTTATAATCAATCAGGTACAACAGCATCTTCCCTTATTCGAAGAGGGGAGAAAAAGAACTT
AATTTGAGAAGAACAATTGGAATGGTAACTTCATTCTTTGATTGCTCCTCCTTGCTTTTCCCTTTTCTGC
TTAATGTAAACAGAAGCAGGAACAGCATGGTAACTGTAAAAGAACTTCATGTCTTCTTTGTTGATGCGAGAG
TTAGAAGAGCAAAGAGTTATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12251AB331958|Glycine max mRNA for peroxisomal enoyl-CoA hydratase/isomerase
family protein, complete cds

ACCTTTCTCATTTTCAATGCGGGAACCTTTTTTAATTCAATTTTCATTACCCAATTTTCATCATTTCTTCGCCGGAA
TGGATCGTTCTTCGCCGAAAATCTCATCCTCGTCAACAGAGAATCAAATGGGATCGCATTTCATTACAATCAAC
CGCCCCAAGTCGTTGAATTCGTTAACGAGACCGATGATGATAGATTTGGCTCGGGCGTTTAAGAGCTTAGACC
GCGACGATCCGTCGGGTCATCATCCTCTCGGATCAGGACGAGCCTTTTCTCCGGTGTAGATCTAACTGC
GGCGGAGGATGTTTTCAAGGAGATGTGAAGGATGTTGAATCCGATCCGGTTGCGCAAATGGAACTTTGCCG
GAAGCCGATCATCGGAGCGATTGCAGTTTTGCTATCACCGCTGGATTTGAGATCGCTTTGGCTTGTGACATA
CTCATCGCTGCCAAAGGAGCCAAGTTCATCGACACTCATGCTAGATTTGGGATATTTCTTCATGGGGATTATC
TCAGAAGTTAGGAAGGATAATTGGAGTCAACAAAGCTCGTGAAGTATCGTTAACGGCGATGCCTCTAACAGC
AGAGGAAGCAGAGAAAAGGGGATTGGTGAATCAGGTGGTTGAAGGAAGTGAATTGTTGAAGAAAGCTCGA
GAGGTTGCGGAGGCAATTTGAAGAACAATCAGGATTTGGTACTGAGATACAAGTCAGTCATTAACGATGGC
TTGAAGCTTGATCTTGCCAAGCTCTTGCAATTGAAAAGGAGAGAGCCCATGCATATTACAATGGAATGACAA
AAGAACAATTCAGAAAATGCAAGAATTCATAGCTGGTCGGAGCTCCAAGAGACCTTCAAGTTATAATTAAT
TTGTCTAAGCCCCTTTCTTTTTCAATAATAACGAATACAAACCCCTCATCTTTTTTTAGCTGTTTCCATATTCTA
AATAAGAATTTTCATCTTCATCTTCATAGCGTGATACGACTCACTTCATAAGTAATCTTATCTATAGTTTCATAA
ATAAAGGAAGAATGTATTTTAATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12252XM_002875190|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase
family protein, mRNA

AGAGAATTTCTAGTAGAGAGGAGGAACCCAGTGAAGTTGAGTTAGTATGTCTTGAGGCTAGGCAGATCATA
GCTGAAAGGGAGTTCTTCTCTCCACTTCTGATTGGAGCAATGAGGAATTCAGTTTGATTAGACTGTGAGG
ATGGAGAATTAGATTATAGCTCAGGTATGGCGGCGGATCAGTGTTTAGGCTGGTCACATTACAGTTTGGTG
GACTTGGAAGCCTGCATGGACGCAATCCACTCTCAAAATTGGAGGAAAGCATCGAAGAGGAGGGCGAAGAT
AGTGAGGGGGAGGAGCAAGGAGAAACAGCTGCCTTTCTCCTTCTGAACCCATTTCTGTCGTGTCAAAGCTTT
CTATGTCTCTCAAGAATACCATACTGGGTGATAAGAATCAGAAAAACCAAAAGTACCAGGTCACAAAGCCTGA

ATATGGATATATTACCAACACATCTGCAGGGCACAGGAGTGCAAATGAGCAGTTTCCTCCAAGTGTCAGCTTT
GTTAAGCTCGGGGATATGAATGAGGAAGAGTGGTCACTTTTTCTGGATAAATTCCCCGAGCTGCTCCGCCAG
CATTTGCCAAACGCAAATCTGCGGTGCTCGGGCAGAGGCAGAGGCAGAGACTTGGTACTTCTTGCCAGTTTTG
AGATGATGAGGTTCAATTCAGTGTGTTGCTGTGATAGAGCATTATAGATATTATATAATAGCATTAGAATTATG
GAAGTGATCGACGACTCAGTATTAGGATTGGCTTTGCATTGTGGCTTTAATCCCTCGAGATAATAGGGCTCA
TAGTTGGAGCTCAGTTTGAGGAACCTTGCTGTATATATTCTTCTCATCAGCTAAGTGAGACCAGCTGAGTAGAAT
TGTTTGATTCTTGGTATTTCCCTACCTTCTTCTTCTTCTTCCCCCTTTGACTTGTGAACTTGTTTCATAAATAA
ATTGTATGCAACTTAAACCCTGAAAAAGAGGTGCAATGTAAATAGGGTACTTTATGTTCTGTACCTGCTTTA
ACTTTATTCTTATAATCTTTTTCTTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12253GQ988380|Pistacia chinensis fatty acid elongase (FAE1) mRNA, complete cds

AGCCAAAGCCATCCACACCTTTGCTAAGCACAAAAGCACCATCCTCGAGAAGCCTTCCTGATTTTAAGAAGTCT
GTCAAACCTGAAATATGTGAAACTTGGCTATCACTATCTTATCACCCATGGAATGTACCTCTTCCTTTCTCCTTTG
GCAGTTGTGATTGCGGCACAGCTTTCGACATTTCCCTTCAAGATCTTTATGAAGTTTGGGGTCATCTTCAATAT
AATTTAGTTTCTGTAATTCTTTGTTCAACCCTCCTTGTTTTCTGTCTACCTTGATTTTCTTACCCGTCCTCGCCC
TGTTTACCTTGTTAACTTTTCATGCTACAAGCCCGATGAATCTCGTAAATGCACGAAGAAAATTTTATGGAGC
AATCTCAGATGACGGGGACGTTTACGGAGGACAATCTTCAATTCAAAGGAAAATCCTTGAGAGATCTGGCCT
TGGGGATTCAACCTATCTTCCTGAGGCTGTTCTCAATATTCCTCCAAACCCCTCCATGGCAGAAGCTAGAAAAG
AAGCTGAAATGGTGATGTTTGGTGCCATTGATGAGCTTTAGCCAAGACAAGCGTGAAACCGAAAGATATTG
GTATCTTGATTGTGAATTGTAGCTTGTTCAATCCAACACCGTCGCTTTCTGCTATGGTCATCAACCACTACAAGC
TGAGAGGAAACATTATTAGTTACAATCTTGGTGGTATGGGTTGCAGTGCAGGTCTTATTTCTATTGATCTTGCC
AAACAGCTGCTTCAGGTCCATCCCAATTCCTATGCCTTGTTATTAGCATGGAGAACATAACATTGAACTGGTA
CTTTGGGAACGACCGATCAAAGCTTGTCTCTAATTGCTTGTTTCGGATGGGTGGAGCAGCAATTAATCTTCGA
ACAGAAGATCTGAGAGAAGGAGGTCCAAATATCAATTAATACATACTGTTCTGACCCACAAGGGAGCAGATG
ATAAGTGCTTTAGCTGTGTTACTCAGGAAGAGGATTCAACTGGGAAGATTGGTGTCACCTTATCGAAAGACTT
AATGGCAGTTGCAGGTGATGCATTGAAGACTAACATCACAACGTTGGG

>trans_s_12254NM_001072856|Oryza sativa Japonica Group Os12g0183100 (Os12g0183100)
mRNA, complete cds

CTATCTTCTACGAAGCGCAAAGGCAAGGAAGAATTCCTTTTATGTGACCTCTCTTGAGAGAAGAAGCAATCAA
CGTTGCTTCTGCAGCAGCACTGTCATTGGATGACCTCATTGTTCCACAGTACAGGGAGGCAGGAGTACTTATA
TGGCGTGGCTTCACTCTGAAAGAATTTGCAAGCCAGTGCTTTGGAAACAAATATGATTATTGTAAAGGGAGGC
AGATGCCTGTCCATTATGGGTCTAAGCGACACAATTACTTCACTGTAGCTTCAACAATTGCTTCTCAAATTCCTC
ATGCTGTTGGCGCTGCATATTCAATGAAGATGGATAAGAAAGATGCTTGTGCAGTCGCTATTTTGGCGATGG
AGGAACAAGTGAGGGAGATTTCCACGCAGCTTTAAATTTGCCGCAGTTTTGGAGGCACCTGTTATCTTTATTT
GCCGGAACAATGGATGGGCGATCAGTACTCCTGTTTCAGACCAGTTTCGAAGTGATGGGGTGGTTGTTAAAG
GCCAGGCTTATGGAGTTCGAGTATCCGTGTAGATGGCAATGATGCACTTGCTGTATATAATGCAGTTCGAGC
TGCTCGAGAAATGGCTATTCAAGAACAGAGGCCAATTTTAATTGAGGCTCTACATATAGAGCTGGACACCAC
ACGACATCGGATGATTGACCAAGGTATCGTCCAGCTGAGGAAATGGAATGGTGGAGAGTTGCAATGGACCCT
GTCTCTAGATTTAGGAAATGGATTGAAAGCAATGGTTGGTGGAGTAATAAGGCTGAAACAGAGCTTAGAAGT
AGCCTAAGAAAACAGCTATTAGAGGAGATCCAGTTGGCAGAGAGATATGAGAAGCCCCCTGTGGCAGATGCT
TTCACAGATGTGTATGATGTACCTCCTTCCAACCTCCAAGAGCAAGAGAAGTGGTTAAGAAAAACAATCAAAA
CACACCCACAAGATTATCCATCTAATTTTCTCTGTAGTTTGTCAATTGGGTTTTGAAACACTCTGCCTTATAGAA
ATATGAGAATGGTGATGACATTGTTTATGAATAAAGGCCATAAGGCATATTGATCTAAA

>trans_s_12255XM_002325589|Populus trichocarpa ABC transporter family of the mitochondria family, mRNA

ATAACATTCATTATGGTCGCTTTTCAGCTACCGAGGAGGAGGTTTATGATGCAGCTCAACGTGCTGCAATTCAC
GATACTATCATGAACCTTTCTGAAAAGTATTCTACAGTTGTAGGTGAAAGGGGGGCTTAAGGTGAGATATTATT
AGTGTTGACAAAAACAAAGTGTGTTGTATTGTTTTATTTTGATTCGGTGGTAGGTATGTGCTTGTTGGTATCG
AAAGGGCATTGATGTTTAATTTCTAATGGAGTTTCTCCTTTCTGGCTTTCAATATGCAGCCTAACAGTTAACAG
TATATATGGTGCATGCTTTTGTAAAGCTAAAACAAGAAATCTTTGCGAAATCTTGCCTTTAAGCTAAAACAAGA
TGTTCCCTCCCTAACATTTTGGCCAGTTCTAGAGCTCCCCAACCTGTTTTAGTTTCTTCAGATTAGTGTTCAC
ATAGTTCCTGATCTTCAATTGGCTGTAATGTCTCTGCAGTTAAGCGGTGGCGAGAAGCAACGAGTGGCTCTAG
CTCGAGCATTCTTGAAATCACCGTCTATTCTGCTATGTGATGAGGCTACAAGTGCCTCGACAGCTCAACAGA
GGCCGAAATTTGACTGCATTGAGGTCACTTGCAAATAATAGAACATCAATCTTCATTGCTCATAGGCTTACCA
CTGCCATGCAATGTGATGAGATTATAGTTTTGGAGAATGGGAAGGTGGTTGAAAAAGGTCCCCACGAAGTTC
TCTTATCAAAGGCAGGAAGATATGCTCAGCTGTGGGGCCAGCAAAATAATACCATTGATGCCCTTGATTCTGC
AGTTAACTTGAAGCGCAATAGAAAAAAGGGTCAATAATTCTTAATTTATTCATTCAAAAATAAGGTC
CCTTCCCTCCCCAATAATTTAAATCTGTTCTAATGGATTATAGGCCCTTTATTTTCTTATGTACCATATTATAT
ACTTTGGTCATTGCTACTATATCCATTCAAGACCTGTATTTAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12256NM_001065929|Oryza sativa Japonica Group Os07g0290800 (Os07g0290800)
mRNA, complete cds

TGAACAAAATCAAATTAATCCTGCCTTACGACCGGGGATATACAGGTTGCTGTTTTGAAGAAATTATAAAG
GGAATGAAGGATAATTCCACTTCAACATGGGATGATATAGTCTTCATTCTCCCGGATTTGATGTTTCAACTGA
CCCCAAAAACAGCAATAGGCATTGAGAATAGGACTTGAGATAGTAGCAGTCAAATTTGTCTTATCATACAAA
AAGCTCATAGAGAAACAGGGTATTTATATCAATTCAGGTTCTGAATGGTTGGAAGGAGAAGATCTTTAATCATA
TTTGTGTTAGAGGAGTAATCCTACCGAACTCCAGACCTGATTTGTTGGGATGCCTTTGGGGTTTTGTAGTGTGC
GTCTGTATGTTCTAATCACAACAAATGTTATAGAATCGTGCGTCTTTCTTTGTTGCTTGTAGTGTATGGAATGT
CTAGATGAGTAAAAATATTTATCCTTTGAGCTTTTATATTATGAACCCAAAATAGATGACTAAACCCAAAAT
TCTTGAATCACTTTTCTTTATTGTAAAGAAATAGTGAGAATGTTTTCTTTATCTACCTGCGTTTCGCACAATAG
TCATTGGTGCAAGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCG
CCCCCAAAAATTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCGGACCCCAATTCCCCCTAAAGGGGGGCC
AAAATACCCGCCCCCCCCGGGCCCTTTTAAACCCCGGGAGGGGAAAAACCCGGGGGTTCCCCAATTTAAT
CCCCTTGGAACCAACCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAACAAAAGGCCCCCCCCCAATCCCCCTTCCCAAA
ATTTGCCCCCGGAAAGGGGAAAGGGAACCCCGGGAAGGGGCCCATTAACCGCGGGGGGGGGGGGGGT
TACCCCGAGGGGGACCTTACCTTGCCGGCGCCCAAGCCCCCCCCCTTTTCGTTTTTTCC

>trans_s_12257FJ362593|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L13A (RPL13aB) mRNA, complete cds

CGCACATGAAAAAGTAGACCAAGAAGAGAGGCCTACTAAGATTCAGCCACCCCTCACCTATTAATTGAAAAAC
CCTAGAGAAACGAAGAAGAAGACGACGACGATAGCCGCGAATATGGTGTCCGGTCCGGTATCTGTGCTAAG
CGCGTCGTCGTTGACGCCAGGCATCACATGTTGGGAAGGCTCTCTCCATTATCGCCAAAGAGCTTCTCAATG
GTCAGAAAAGTCGTGGTCCGATGCGAGGAGATCTGCATCTCCGGTGGGTTGGTCCGCCAAAAAATGAAGT
ACATGCGTTTTCTTGAGGAAGCGAATGAACACCAAGCCTTCTCACGGCCCCATTCACTTCCGTGCTCCCGCTAAG
ATCCTTTGGCGCACCATTCGTGGGATGATTCCCCATAAACTAAGCGTGGTGCGGCGGCGCTTGC GCGTGTGA
AGGCGTACGAGGGTGTTCTCTCCGTACGATAAGATGAAGAGGATGGTCATCCCTGATGCCCTCAAGGTCTT

GAGGCTTCAAGCTGGACATAAGTACTGCTTATTGGGAAGACTCTCTTCGGAGGTTGGATGGAACCACTATGAT
ACCATCAAGGAACTCGAGAGGAAGAGAAAGGAAAGATCCCAGGTTGCATATGAGAGAAAGAAGCAGTTAAA
TAAGCTGAGGATTAAGGCCGAGAAGGTTGCTGAGGAGAAGCTTGGTCCCCAACTTGAAGTTATTGCTCCTATC
AAATACTAATTTGTGATTTTGTATCTCAGAAACAGAGATACTGAAGAATTGAGTTGCAGTTGAGTTTCA
ATTTTGACAACGTTTATCTCCTTTTAGTAGACCATGAATCATCTCTGTATGCTTCTAGAATTCTTCAGTTTAGTC
AAGTTTTTGATACCTTTTTGTTATGCATGTCCAGTAGATTCACGATGCCTGTTTTCAACCAAGCAAAAATGTTTT
GATTCCTTTGCTATGCCTATCGTTGTGTTTAACTCTGCAGTTGATTAAACATGGATTGGCTTGAAAAATTAGTC
ATTTTCGGTCCGAACCTTCATGAAGTGGATTCTTATAGGCAA

>trans_s_12258EU372997|Gossypium hirsutum gland development related protein 4-like mRNA,
complete sequence

CCCCCTCTTTTTCTCTCTACAACCAGGGAATTTACTCTCTGTCTCTGTTTCTTGTTTTGGATTGCTGTGAT
TAGACTGTGTTTTTCGTTTGTGTTTTGATTGATTTTCAAGCTGGCGATCGAAAATCACGATACTACTGTTCGT
GAAATCAAGCCCAAGAGCAGAAGAATCATGGGTCCTGACGATGAAGACAATCGATGGCCGCCATGGCTAAAA
CCTCTACTAAGAGAAAAGCTTCTTCGTTCAATGCAAACATCACATCGATTCTCACAAAAGCGAATGCAATATGTA
CTGTTTAGATTGTATGAACGGCGCTCTCTGTTCTTTGCCTCAACTTTCACAAAGACCATCGTGCAATTCAGAT
TCGCAGGTCTTCTTACCATGATGTGATCAGAGTTTCCGAGATTCAAAAAGTTCTGGACATTTCTGGTGTCCAAA
CTTACATTATCAACAGCGCTAGAGTCGTGTTCTTGAACGAAAGACCTCAGCCTCGGCCCCGGCAAAGGCGTTAC
CAATACTTGTGAAGTTTGTGAACGCAGTCTCCTCGATTCTTCCGATTTTGTCTCTTGGTTGCAAGATTGTCGG
AACCTCAAGGAGTTTCCAGAAGAAGAGAGTTGCAATGGCTGCATCCGACTCGGAGGATTCTTATAGCAGCAG
TAGCAACCATAAACGAAGCAAGAGCAACAACAGCAACAACAATAGCAATAAAGTTCAAAGCTTTAGTCCATC
GACACCGCCCCAACATCGGTCAATTACAGGACGGCGAAACGGAGGAAGGGGATACCGCATCGAGCTCCAAT
GGGAGGTCTAGTTTTAGAATATTAGTACTTGCATTTTCACTTAATTATCACAAGGAAAACCCCCCTCCCCTTGA
AAATGTAATGTAATTTTCCACGTTGCTCCTTTCCCTCCAATGCCTTGAGCTTTGTAAAAGAGGCCGGTGTGGA
GGTCTTACTTTTTAATTAGCTTTGTACATAGAAGAAGCATAGATGTGGGGTAAGGAAAACAATAATAAAAAAA
TAATAGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12259AY021178|Oryza sativa microsatellite MRG3503 containing (TA)₂₀, closest to
marker C1338, genomic sequence

CGAAAAAGTTCATAAACTTTAAATTTAGTATTCAATAAATACCTAAAAGTTCAAGAGAAAAATATAATTTCTCG
TTGGAGGGGAAAAACAAATCATATTGAAGATAAAAACCTTGAGAGAACAAAACCGCTATTAACCATCAGATG
AGTTGACCTAGTCATTATTGGAATAAAATGAAAAAAGGACTTAGTTGTTATTGGAATAAAATGAGAAAAG
GACTTAGTATGAAAAAGATAGGTTTCAGCCCTAAGAAATATACCAAATACAAGACACGGATGTGACATAGACC
CATCGACACATCAACACATCATGACGAACATTGCTCAAAATTTATTATTCTCATACATACATATATGTCTTA
GTATATTCGAAATTCTCAATGACTTTGTGCAACTAGTTTCTAATACATCTATTTTGCACTAATAAATGTTTCGATA
TGTGTCTAATTAATATGCATCCGACACAAACAACACTAGCCAACTAAAGTGTTTGTACATTTTAGATTCAAAC
TATGATGGTTACACGTTTAAAGTTTAAATCCTTGGAATTCATGTACACATACATGTATTAATAAATCTTGTTAT
TGAAGAGTTGGTTGTGAGATTAGTCAAAGACCCTTAAGTTGGCTCACACACGAGTACATTTAAGAAAATGAAA
TAGTTATTAACATGTTTAAAGTGATGTTTGTGCAACTTTGCAGATGTAAGGGAGGTATGATAAATGAAGAT
CCTCGAAACCGATCAATGGAACGACGAGGAGTTGTGGCCGATTGGAATGGGAAGAAGATTTATGATCTACAC
AATCTCAAGGAAAGTGATATAGTGATATCTATCTATGGCCATTTTTTTTTGCTTACTTTGAAGGTTTACTATTT
GGGATTAGGTCATAGATAGCTTGACAAGGTGTTGTCGTAATCTCTTCCAAATGTAAAGGGGAGAATAGTTGAT
GTAGTATTATTGCTTCTCACTTCTCATCTGAATCTTAATTTTTCCCCCAAAGCCCAATAAACTATTGCTTATTC
TTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12260NM_001063966|Oryza sativa Japonica Group Os06g0295500 (Os06g0295500)
mRNA, partial cds

AAATTGTAATTCATATAAGAAGTTTGGATATATGTTTAGTTAAAGGTCTTCAAAGTTTTTCATAATGTCAAAAGC
AGGGGCAAAGAATGAAGAGGCAACAGTAGTAGCTATAGATACTGAAACTGAAAACAGAAAGGATGGAGAA
GAGATGAACAGTGGTTGGATGAGACCAGGAGATGTTGATTTTGTAAATGATTGTCGTAACATTCATTGCAGCCG
TGGCATTCCAAGTAGGAACAAACCCACCGGGCAGTGTATGGCAAGAGGACAAGAATGGCTTTACTGCAGGTA
AATTGATAATGGCGTCAAAATCACCTTCTGAGTACAAAAAATTCATGGCGGGAGTGACATTATGTCTTTCATT
TCGTTGATCCAGTTAAGTGTGATGTTATTCAGATGGTACCTCAAACTTATTCAGTTAGGAGAATGATTATGTA
TCTACTGATGATATGTACAATAGCGCCAATGATTTTTTCTTTTGGGCCTCTGTTAAAGCTTTGACACCTGATGA
AAAAATAATGTCTGAGATCACTGCTACCATATGGTCTAGTTTCGGAGTCTATCTTATGAGCCTTCCATTAATTCT
ACTTTACTACCTACTCAAGAAATTCTGTGAGTTATATCATTTTCTAATGTGTTTTTATCTTGATTAATTTCT
TTAATTCCTAAAAAAAACCTTCAATGTAATTTGTTTAAATTTCTTAAGTTTCGAGTCGATGAACTTTTCAATGTAA
TTTGCTTCCTTTAAGTTTTGAGTTAATAAACTTTAATTGTGATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAACAAAAAAAAAACCGCCCCCCCCCCCCCA
AAAAATATTCAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGCCCCGCCGCCCATCCCCCTAAGGGGGCTTAATTAACC
CCCCCTAGGGGGCTTTTTTTTAAACCCCGTGTGGGAAAA

>trans_s_12261AY237139|Hydrangea macrophylla ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds;
ribosomal protein S7 (rps7) gene, complete cds; and NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) gene,
partial cds; chloroplast

GGTACTCATCAGGCCGCGTAGGACAGAACGATGGAAGTTTTATTTCCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCT
AATTCTTCTTCTGATGATCGATTTAACCTCTGATCACCTCTCGCGCAAGGTGTTATATTTTCATCTCTCAACAAGT
TAGTAATGAGCATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCC
AAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGA
GTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTGTTATTCGTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGT
TTTTATGCGGTGCTAATGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCTAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATC
TGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTATGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGTTCT
TCTATTCTGGTTTATGGTTTCTTGGCTATATGGTTTATCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTAAA
TGGTCTTCTCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTCGCGCTCATCACTGTAGGAATTG
GGTTCAAGCTTTCCCTAGCCCCCTTTTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGAGTGCGGTTTCGTTTCGATAA
ATTCCTACCTCTCTATCTATCTGAGATGTTTGGATTTTCAAACTTCATGGACATGCAGAAGAGAAATACTA
TCCCCACTCGGACCAAGACATAACTTTTACTTGTTCAAATAACAATTAAGGTGAAGCAGGGTCAGGAACAACG
AATCTCTTTATGATAAACAGATTCATTTGCAAGTTCGTTATTACGGGTAGTTTCTACAAAGGATCGGACTAAT
GACGTATACAATACTTGAATTCTCGATGTAGATGCTACATAGTTGGTTCTCATCCTTCAGAGACTACGAGTGTA
ATAGGAGCAGGCGTCGACAAAAGAGCTGAA

>trans_s_12262AB052558|Nicotiana tabacum NTGT1b mRNA for glucosyltransferase, complete cds

GTATTAAGTAATTAAGCTGCAAATTATTATTTAGAAATTGAGATAACACAAAGTTTCATTTACTAATCTCACA
ACTCTAAAATATATCTGAAGAAAAAGAAAATCAATTTTATCAAGTAATGAACCACTCAGCTTCCAGTTCAAAAG
CCTACAATAATATAATTGGTTTACCTCCAATCTCAAACATATCCCCACCATGACCATACCTCATCATCTGGT
CTTCATCTGTACTCCAGCAATCGGAAATCTAGTTCCGGCCGTCGAATTCGCCACCCGGTTAATCAATCACGACT
CTCGTTTCTTCGTCACGTTTCTCCATCGACATCCCCGGAACATCCCTCGTCACTGCCTATACCCAATCACGTTT
CTCCCTTCCCCATCTCCAAACCTCCAATTCATTCAATTTCCATCTCTCCAACCCCATCCCCAATCTCTACCATT

CCTATGTCGCTTATTTATCCTTAATCTTCAATTCTCATAAACCCAACGTCAAACATGCTATCTCCGACCTCCAAAA
AAAACCTCCACAACCTCCTCGCGTATCGTCGGGATCTTTGTCGACATGTTCACTACTACATTCATCGACGTCGCTA
ACGATCTCCAAATTCCTTCCTACCTCTTTTTGCGTCCCCTGCCACTTTCCTTGGCCTCATGATTCATTTATCTAAA
ACCGATCACGACCGGTTTAACGCGTTGATTGCTAACTCGGAGGCTGAGTTCGTTTTACCGAGTTATGTTACAGTC
GTTGACTGTGAGTATGTTGCCGCCGACGCTTTTGACGACGGAGGATGGTTTGTGTTTGGTACGGTTATCACGGG
CGACGGTATGGGGAGACGAAGGGTATTGTTATAAACACGTTTGAAGAGCTTGAGCCACACGCTTTGAGGTCG
TTGGATTTGGATGAGGTTCCACCGGTTTATGCTGTTGGGCTGTGGTTGATTTGGGTGGGCCGGGCCAGTGG
CAGGCTGGTGAGGGAAGGCTCGAGAGGGTTGTGAAGTGGTTGGATGGTCAGGAGGAAGGGTCGGTTGTTTT
GTTGAGCTTTGGGAGTATGGGGAGTCTTGAT

>trans_s_12263EU395433|Prunus armeniaca cultivar Modesto alcohol dehydrogenase (ADH) mRNA,
complete cds

TTCTTCCTTTTTCCCCAGGAATTGTAGACCCATTTGCTTCCAAGATGGAGGGAGCAACCAACAACGTCTTACTT
TCTTCGGTGGGGATGAGATCTCCAAGAATCTGGCTTTCATCTTGCCAGAAGGGGTTGCAGATTAGTTTTGA
TTGGAAATGAGTGTGTTCTTCAGAGCATGAGTAAGATGATAGCGGAATCGTTAAAGGGTGTACTGCCAATTG
AGGTTGTTGGGTTGGACATGGAAGAAGAGAGAGAGGCGGCTTTTGATGAGGCTGTGAACAGGGCATGCAGT
GTTTTGGGAACTTTGGATGCTTCGTCCATGCTTATTCTTATGAAGGTCCCATACAAGATGCTTTACAACATCT
GAAGAGGAATTCAAAAAGATTGTTAAGATAAATTTGATGGCCTCATGGTTTCTGATGAAGGCTGTCTGTGCAA
GAATGCGAGACCAGAAATCAGGAGGTTCACTAATTTCTTAACCACTTAATTGGTGCTGAGAGGGGATTGTA
TCCAGGAGGAGCTGCATATGGATCGTGCTCAGCAGGCTTACAGCAGTTAGCTCGAACTTCAGCTCTGGATGTT
GGAAAGTATAAGATCAGGGTCAATGCAATCGCTCGTGGATTGCACCTGGATGATGGATATCCTGTATCGGTG
GGCAAGGAACGTGCAAAGAAGCTAGTCAAGGATGCAGCTCCGCTAGAAAGATGGCTTGATGTCAAGGATGA
TTTAGCTTCAACTGTTATTTATCTAATCAGCGATGGGTCACGGTACATGACTGGAACAACCATCTTTGTTGATG
GGGCACAGTCTCTAGTGAGGCCACGCATGCGCTCATATATGTAATCCTTATACGTGGTGGATGGTCAGCCTTT
GGGAAAGGTGGATGTAGGCCATTGTTGATTCACTCAACCCATTGTGACCGAATAAATTTGAAGTTTAGTGAAA
GCATGTTTGAGTTGATAGTTTCTCAAATGCCTTTTATCTTGTTCATTTTCATAGTTGAAGTTATCTTTCTCCAAA
ATTCCAGAGTTTATAAATAGGGATTTCAAAGTGTATGATAATTACA

>trans_s_12264DQ914794|Cucumis melo xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 1 (XTH1)
mRNA, complete cds

ACCAAGCTTTGTTATCTTCACATCTATCCTATTTCAACACCCTCACTTCGTTATAGTATCTCTTGCCGAAGCAAAA
AAAAAATGCATTCTCCTCACAAGGTTGGACAATAATGCTTCCACTGTGTGTGCTCATGGCTTCTATAATGACC
GCCACCGCCGGCAACTTTCTCCAAGACGTCGACATTACTTGGGGAGGTCCACGTGCCAAGATACTAGACGGA
GGCCGGCATCTCTCCCTCTCTCTCGACAAAGACTCAGGATCAGGTTTCCAATCTAAACAAGAGTTTCTATTGG
AAGATTCGATGTGCAAATGAAGCTCGTCCCGGGAACTCTGCTGGCACTGTCACCACTTTTTATTGTCTTCTC
AAGGAGGATCACACGATGAGATTGACTTTGAATTCCTTAGGCAACTCGTCTGGAGATCCATACACACTTCATAC
CAACGTTTACTCACAAGGAAAAGGAAATAGGGAACAACAATTTACCTCTGGTTTGATCCCAAGGGATT
CACACCTATTCTATCGATTGGTCTCCAGAAAGTATCAAGTTTTTAGTGGATAACATTCCTATAAGGGTATTCCAT
AACTGGGAAAATATTGGAGTGTCTTACCCGAAGAGCCAACCCATGAGAGTTTATTCAAGTTTGTGGAATGCGA
ACGATTGGGCAACTAGAGGGGGATTGGTGAAGACCGATTGGACACAAGCCCCTTTACAGCATCATACAGAA
ACTTTAATGCCAATGGGTGTGTTGCATCATCTGGATCATCATGTGGCTCTAAGTTTTGAGTACTCTGCAA
GGTGGAGCACAAAGTGGATTAGATGCCAATAGTAGAAATAGAATGAGATGGGTGCAGTCCAAGTTCATGATT
TACAATTACTGCACTGACCATAAAAGATTTCTCAAGGCATTCCAGCTGAATGCAAGCGCCCAAGGTTCTGTG

AGAGATCTTACACACCAAGCTCCAAAGCTAAGTCAGACTATATACAACCTCAAGACATTCAAATGCCTCTGTTTC
CTATAATTATTTGATTGATGTACTTATTACTATAGAAAAA

>trans_s_12265NM_001056344|Oryza sativa Japonica Group Os03g0293100 (Os03g0293100)
mRNA, complete cds

AAACAAAGAAATATCAAAGCATCGGCCATTGGAGGAGCTGCTCTCCTCTCTAAATCCCTTCTCTATGGTTGGCC
CTTAAAACCCACTTTTACAAATGGCTGTTTCTCTCAATTTACTCTCCGCCTTCAACTCTACGAAGTGGCAAGTCA
CTTACGAAAACGTTTCGAGATCCTCGTTTCCAAATGTCAGAAAATCGACGTCCTTATGTGGGACTTATTGCACG
ACTAGAGGAATTGCAAAGGAGAGAAGACGAGGATTGTCTCTCACTTGCAGCTACAGGCAGCAACCAGGTG
GACACAAACACCAATGAGAAGGGTCTGAAATTACCGGAAGAACTCTTCTAATGACAATTCCTCAGCTTTGA
GTCAATCGCCTTCAAATGCTTCGTCAGAGAATGGAATCTCTCAACTCAATGTTAACAATGAGTCTTCTTCTCAAC
TATCCGAGGCTTCCAATGGACAAGCATTGTCTTCAGAACAGAATCCAGATACAAGTTCATCACCTGATTCACAG
TCTACAAAAAATCTCCATTAAGTCAAGAGAAAGACTAAGGGCTGCTCGTGTCTTAGCCGTTACAACGAAT
CGAAGACCTCCAAGTCCGACATGGGCAGCAAAGTATTGGAAGCAATACGAGAGAGTGATCGTGGGAAGAAA
AGGTGAGGCTTCCAGAAGCACCTATTAATTTGTTGATGATAGCAAGCGAGGGATGCCAAAACCGGGGTGG
ACGTTTCAGTTCCAGGTGGTTCAGATCTGTTCTTCATTGTCTTTTCGTTTCGTTTCATTAGTACAGTGATGTTTG
CTACCACCTACATTGTGTGGAAAGTTGGTGAATTCATTTTAATGAGTACTGAAATGCACTGCAAAGAGGTGA
AAAAGCCGCCTCTGTTCTTCTAGAAATAGGTCTTTGATCTTCTTCTTATATGATACACTGGGATGCTCATCTC
TTGCTAGATGCCATACTCAGTAATGCTTGACAGTCTGTACGTACAAAACCTTTTGTCTAACATTTTGATTAA
GTTCTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12266X92491|S.tuberosum mRNA for TOM20 protein

GTATGAGCGCCAAGAACTACCGCTTATTCCATGAATCCGTCCTAAAGCTCAACCGCCTTCTCCCCATTTTCCC
AGCTTTCTTCTCACACAACCATTTTACAACCCTTTTCTTCTAATGGATTTGCAGCCCAGCGAATTCGATCGCAT
TCTTTTCTTCGAGCATGCTCGTAAGAACGCCGAATCTACTTACGCCACCAATCCCCTTGATGCCGAGAATTTGA
CGAGATGGGCAGGAGCTTTGTTAGAGCTTCTCAGTTCAGAGCGTTCCAGAATCGAAGAAGATGATTCTAGA
CTCAATTTCAAAGCTGGAGGAGGCACTGATGATTAACCCAAAGAAGCATGATGCTCTTGGTGCTTAGGGAAT
GCTTATACATCCCATGCTTTTTTGAACCCAAACCAGGATGAGGCAAGGGAGTTTTTGTATAAGGCCACAATATA
CTTTAAGCAAGCTGTGGATGAGGATCCTGGAAATGAAATTTATCTGAAGTCTTGGAGGTGACTGCTAAGGCT
CCGGAATTGCATTTAGAGATCCATAAGCATGGGTTTGCTCAACAGGCAACTGGAGCAGCGGAACCTTCTGCTT
CATCCAGTACTAAGAAAAAGGGTAGCAGTGATCTGAAATATGACATATTTGGATGGATAATACTTGCTGTTGG
CTTAGTTGCATGGGTGGGGTTCGCGAAGTCTAACGTCCCCACCCCGCCAGCACCCCGATAAGTCGTCTTGCGA
GAAGTTTGGAAGTCCAGAGGCATTTATCTGATCTATTAGTAGAGATGAGAATTACATATCAATCATCCCCTTTC
TTTTATTTTTTCACTTTTTTGGGCAGTACTATTTTAGTAGATTTATTATCATGTGAATCGCTTTTGTCTGCTT
TTCTGCGCTATGACTTGTGTAAAAAAGAAGTTGGGTTTGCATCCTTTGTAATGGGAGGGGGGTTTGTGGGAA
CCTTTGTTTTACTATTTGGTGATGATTTGTAGAGTAGAAAAGGTTTACTCTAATTTCTTTCCCAATATAGGAA
TGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12267XM_002879845|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA binding protein, mRNA

ACCTCTAGTCTTCTCCAATCTTTCATAGTTCACCCCTCCCCTACGATCAGACGACGCCGGCGACTGTAACCTCG
ATCAGTCCAACCGCAATTTCCCTTTGTTTGGACTAGGTTTAAAGGATTTCCCTTTGTTTTCTTATCCTTTTTTC
TGTATGAGGAATGTTTCAACTGGTTTGACAGAACACACATATAAACCCAATTAATCTTAATAGAAGCCATTGG
ATAAACCTATCTCTTCTCATCTCACTTCAGTTGCCCCACCGTAGGTGCCACTGTTCTCATCTCCCATCACCGG
CTGCCGGAGGCTCCCCAACCGGCGCTCTAACCTCGTCTCGTCACTTATTAGAAGTAGGGTTGAAGCCAAATCT

CTGTCAAAGTATGAAAGGTGGAAGAAAGAACTTACAGAGGGCATCAGAGCATCATATCGCGAGCCTCGAAGA
TGGTCATAGCATTATGCTGGTTGTCTCAATTCGTGGTTCCAATCTAATTGAGGTAATGGATGCACAAGGTGGG
AAATCACTGGCATTATTTCTGCCAAGTTTCAAAAGAGTATGTGGATAAAACGAGGGAGTTTCGTTGTAGTTG
ATGAAAGTGGAAGAAGAATGCTCTTGAATCTGGAAGCAAGGTGGCATGCATTGTTTCTCGAGTTCTATATTT
TGAACAAGTTCGCGAGCTTCAAAAATCCCCAGGATGGCCAGAAATCTTCAAGAATGCAATTGTTGGAGATCGA
AACGAAAATCTTCGAGCACAAAATAATCAACCAGAAGAGGATGAGGTCAATTCGAGTGATGATGATGGCCTT
CCCCCTTTAGAAGCCAACACGAACAGAGCTAAACCATTAATATTACAACCGGATGCCGAATCAGAGTCTGATT
CAGATTCTTAAGTTGTATATTAGTTTTAACTCTACACTCTTTTATTTAATTACCATGGACATTCATTTTGATCGTTT
GTCCTACGATTAAAAATTTTAATTTTGAATAAAATTTCTGAGTACCTATTTTTGAATCTGATGGGATAAGATAT
CTATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12268NM_112981|Arabidopsis thaliana RNA binding / nucleic acid binding / nucleotide
binding (AT3G20890) mRNA, complete cds

TTGTTGAGCTTCTTCTCAAAATTCATGGGCCAGCCCGGAATGAAATCGGAAGGGTAGGGGTCCATTGAGGCT
TAACCGGAGGTCTCTTTCAGTTCCTTTTCTTCTTACTTCTTTCTTCTTCTCCCTTCACCATATTTGGATTTT
GGAATTTTCGATTCAGATTTTCAATCCAATGAAGCTGCGACCTTTCAACAACAACAACCAACTGGGTATCC
CCTATCAGCATGAACATGTTCTACCGAGGTCCATATGCTGATGGTGGTGATGGTCGTGAAATGGGTGCAAAGC
GTCAAAGGATAGTCGATCAGGGATCTTCTTATTATGGGACTTCTCCGGGTCTGGGTTTATGTATAATACAAGT
CCCTATGCGTATGTTAATCAGCCACCACCATTTCTGTTGTCAGACTACGGGGTTTGCCTTTCGATTGCATGGA
AACTGATGTTGTTGAGTCTTTTCTGTTCTGGACATAGTCGACATTCTTTTCGTCCACAAGAATGGAAAATTCA
CAGGGGAAGGTTTTTGTGTCTTGGGTTATCTCTCCAGGTTGATTTTGCCCTTCAGAGGAATAGGCAAAACAT
GGGAGAAGATATGTTGAGATTTTCAAGAGTAATCGACAAGAATACTACAAGGCTGTAGCAAATGAAGTTTT
TGATGCCCCGGGTGGGTCAACAAGAAGAAGTGCCCCAAGGTCCAAGTTAAACGATGAGGTGAAAGACTCTG
CTGAACACACCGGTGTATTACGCCTGAGAGGACTGCCATATTCTGCAGGCAAAGATGACATACTGGATTTCTT
CAAAGTTTTCAACTTATCAGAAGACTCTATTCATTTAACTGAATTCAGAGGGGAGACCAAGTGGGGAAGCA
TTTGTGAATTCTCAAACGAACAAGACTCAAAGCAGCCATGTCCAAGGATAGAATGACACTAGGTAGCCGCT
ACATCGAGTTGTTCCCATCATCACATGAAAAATTGGACGAAGCAATCTCTAGAGGACGGTGACACCAGCTATA
ATTCTATCCCTGTTCTTCTTCAATTAATATGTTGTTTTG

>trans_s_12269GQ997940|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 clp protease
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

CCCCAAAAGAAAAAAAAAAGAAGTCGTAGCAAAAAGCCATGCTATTGGGGCATTGTCTATATGTGCAAA
TCCAATCGGGCAGATCTTGACTCGGAGTAGAGCATAAACCTAAAAGAATTGAAGAAGACCATTTTGAACA
AGAAAATGACATCGGAATTGAAATTGAATCTCGATGAAACAATATATCAATGAAAAGTTAGTTTCGATAAATTG
AAAATTTAATGAATTGTTTTTTTATTTATTGAAATTTATAGTATAGATAAACGACCGCGGGCCAAAGGACAAAA
CTCATCAAAAACCCAAAAAAATGGAAGGTAAGAAAAAGCCCCTTCATTAGAAGTTAGAAAGAGTCCTCTAAA
GAAGGCTAAAATCTAAACATTGATTCTTTTTTCGCTATTTTTTTGAACCGTATGCATCAAAGGTGCCCCGTACG
GTTCTTAAGGGATACAATTTTATCCTAATCAACCGACTTTATCGAGAAAGATTACTTTTTTTAGGCCAAGAGGT
TGATAGTGAGATTTTCAATCAACTTATTGGTCTTATGGTATATCTCAGTATGGAGAATGATACCAAAGATCTGT
ATTTATTTATAAACTCTCCCGGTGGAGGGGTAATAAGCGGATTAGGTATTTATGATACTATGCAATTTGTGCAA
CCACATGTACAGACAGTATGCATGGGATTAGCCGCTTCAATGGGATCTTTTATTCTAGTCGGAGGAGAAATTA
CCAAACGTCTAGCATTCCCGCACGCTAGGGTAATGATCCATCAACCTGCTAGTTCTTTTTATGAGGCACAAACG
GGAGAATTTATCCTGGAAGCGAAAGAACTACTGAGGCTGCGCGAAATCCTCACAAGGGTTTATGTACAAAGA
ACAGGCAAACCTTATGGGTTATATCCGAAGACATGGAAAGGGATGTTTTTATGTCAGCAACAGAAGCCCAA

GCTTATGGAATTGTTGATCTTGTAGCGGTTGAATAACAAATAGCAGGTATTTACGCACAAATGGCTTGAAAA
GCTAAAAGAGAAAAATGGCCCAATTTATATTACTAAATTAA

>trans_s_12270NM_001068508|Oryza sativa Japonica Group Os08g0459300 (Os08g0459300)
mRNA, complete cds

TGCCTTTGAGTAAAACACAAGTCTCTCCTTCGCTTCAATCTCACTTTTTCTTCATTTCTTAATCTCTCTCTCTCTCT
TCTCTCTGTAAGACAGCTGCAATGGCGACCAAGATTCTGTGGTATCTCTTGTTTTCTGCCCTGTTCTGCTCTGTT
TTTTCTGCAGGAGATTTTGCAGCAAATGTGACCGATAACCCTGCTGATAAACTAGTAGCTGTGCTGAACAAGA
ACAGAACGGGCTCATAAGTTATCTCCTCTAAAAGACAATCCTGGCTTGGCATGCCTTGCTCTTCAGTATATTAAG
GCGTACCAAGGGAAATGTGAAGCGGTTGGAGGTCCCGACGGAATGAAGCCTCCTAATTCTGCGTTTGCTGAA
ACTTTTGCTCCTAACTGTGGCGTTGTTGTATCGTCTCTTGACCAATTACGGGGCGGTTGCTCGGTTGCCAGTC
TAAATATGTACATGCTCCCGAAGCATTTTCTGATGTTTTAATGGAGAATAACAAGAGCTTGGAGATTCTTTACT
ACAAGAATAACACTGAAGTTGGAGCTGCTGTTACTGGCACGGATGGGGGTTCTCCTTACTTTTGGTGTGTGTT
GTTTCAGCAACGGCAGCACCTCCAACAGCTTTGCTTTTGAGGGGGGAGTGGCCAAGTTAACGCGCCCCGGTTG
CTACAGTGGTGCCAATGACCAATGCAGCGGAGCCAATAGGCAGTTCTCAACCTCCCGTATGTTGCTATCAGCC
ATCACATCTTTAGTTGCCATAACATATGCCTTTGGTTTATGATCGTAGTCGTAGATAGGTCTCATCGAAACACG
AAAAACACCATATTACTTGCTTTACAACCATCTATTTTCTTCATCATTGGTTGGGCACTGTATTCTTTGTTTGATT
TTCAAGTTTTTGAATTGCTTTCAAAGTGTTGATTCTGTTATTTGGTCATCAAGTCATCATATATTGTAAAATC
TCGTGTATTCTTGGATTTCATAGGGGATCCATTTTTCTCATAAAAGAAAGTTCCACTTTATTAAGTACAGTTA
CGTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12271U64678|Gossypium hirsutum ribosomal protein L44 isoform b (RL44), complete cds

TTCGCCGATTAGGGTTTCTTCAGAGAAGTTGTGAGGACCAGAATCCACCATGGTGAACGTTCCCAAGACAAAAG
AAGACTTACTGCAAGAGCAAGGAATGTAGAAAGCATACCTTGACAAGGTTACCCAATACAAAAAGGGTAAG
GACAGTCTTGCTGCTCAAGGAAAGCGTCGTTATGATCGTAAACAATCAGGATATGGTGGACAAACCAAGCCT
GTCTTTTACAAGAAGGCTAAAACTACAAAGAAGATTGTGCTAAGGTTGCAATGCCAGGGTTGCAAGCATGTCT
CACAGCATCCCATTAAGAGATGCAAGCATTTTGAGATTGGTGGAGACAAGAAGGGAAAGGGAACTTCTCTGT
TTTAGATGCATTAACATTGTCATTCACTATATATTGCTGCTGTTTAGGGAGTCAGAATTGTGGGCTTGTTCTGCC
CTTTGCTTTTTTGTGTTTGGTGTGTTCTGATATTTGGGAACATTTTTACTTGTTGAATTTTGTGTTAATGTATCAGTTA
TAATGGAACGACTAGCCTATCTTCTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAGGCCCCCGGCCCTCAAAAACTAATAAAACCGCCAACCCCAAGGGGGGGCCCGGAACCCAATTCCC
CCTATAGGGAGTCGAATTACCCCCCTCACGGGCCGCCTTTTTACAACGCCGGGACGGGAAAAACCCGGGCTT
TACCCAATTAATCCCCTTGAAACACATCCCCCTTCCCAGTTGGCGAAAAACAAAAGCCCCCCCCGATC
CCCCTTCAAAAATTTGCCACCCTGAAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGTAGCGGCCCATTAAGCGCGGGGG
GGGGGGGGGTTACCCCCACGGGACCGCTACATTTGCCAGCCCCCTACCGCCCGCCCTTTCTTTTCTTCCCT
TCCTTTCCCCCACGTTTCGCCGTTTTCCCCGTCAAGCTCTAAAT

>trans_s_12272AF380627|Arabidopsis thaliana AT5g53330/K19E1_13 mRNA, complete cds

GTAAAACTTTTTAAGACATATTGGTTTGACAATCGTCCACCGTCTTTCCTTCAGCTTTTCTCTGTTCTCCAA
TGGCGTACGATTTAGAAACAATTCCGGCCACTACGATTCTCATCCGATGTACGCCTCAACCGCTTCTTCTACCC
CATCTCCTTCTCCCCATCCCATGTATTCACAGTCAATGTACCCAGAAATCGGTCAACAAGCTCCTTCATCAACCC
CTCCGGTGGCCCGTCTCTCATCCCATCATATTCTTCTTCTCCATCCTCATCGCCTTCTTCTTCGTCAGGTTTGGG
CATCAGGGTTACCATTAAACCGGAATATCGAATTACTCTCCGCCTCAATTATCTCCACAAGTTGGAGATATTC

CTCGGAGCAATTTCCATTTTGATTTTGAGTTTGAGAAAAAGGTTTTAGCTGAAGCAGAGAAAGAAGCTCCAAA
TTGGAATCGGTTTGGGTTGGAACAACCTCCTCCTAAACAGTGGAGTCCACATCTTCAATGGGTTCAATTGGA
GATCCAACGTGAGCAAGTATGTTGCATCTGGCTTGAATCGGGAAGCTGTTTCATTTGCAGTTGCTAACTATG
GAGACAACCCAACCAAGGTTCAAGAATTTGTAAAAGGCTACACACTCCTACGAGAAATGGGATTTTCTTCTAT
CAAGGTGGTCGAGGCATTACTCATGTATGACAATGACACCGATAAGGCTGTAGCTCATTTTCTGGGTGGTACG
TCTTAATTAAGACTTATGAAAATGATTGTGTCAAGAATTCTGTTGTACTTCAACTATGACATCTTTGTATATGTA
ATATGACTATAGAGGCCTCTTGGGATTGTAAATGTTATAAATAATATAGGCATAGGCATTTTGTAGTATTTTA
GTCGTTTACCTATCGGTGTTTCACCAACACTTGCAGACCTCTTACGATAGCTGATGATGATTACATTTTATATT
TTTCATGTCTTTGGATTGAATTCTGCTGCAGAATTAAGTATATGTTGATTGCAAATTCATGCCTTGATGACCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12273XM_002873690|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

ATAACAGGCTTACTCCCATGGCTCTGCTTGCAACTCAGTAAGGATCCCCTGACAGGACCAGCTTCACCACTCCA
GCAACAACATCAGAAAGCGTGCTCAGTTGCATCAAATATTTCTATATGGTGTGTGCGAAATCATTGGACGAA
TTAGCTACTGTTTTCATGGCATACTCTCGAGGTGAGATCAAAAGTATTCAGATCCTTCTTGCTTGTGTCTCCCCT
CTACTTTGCAATGAGTGGTTTCAAAGCACTCTGCACTGGCTTTTGGCCACTTGTTGCGCTTGCTGGAGAAAGG
ACCAGTTGAATACCAGCGTGAATACTGCTGATGCTGAAGGCATTGCTCCAGCATACTCCTGTAGATGCTTCGC
AAAGTCCACATATGTACGCAATTGTCTCGCAGTTGGTTGAGAGTACGTTGTGCTGGGAGGCATTGAGTGTATT
AGAAGCACTTTTACAGAGTTGTAGTTCAATGACAGGTCTCACCCACACGAACCGGGGTCCTTTGAAAATGGA
CATGGTGGAGTTGAGGACAAGGTGCTAGCTCCTCAGACATCGTTCAAGGCTCGCAGTGGACCCTTACAATATG
GCATCGTGTCAACATCTGCACCGGGTCTATTCTTGCTGCGGGGTTTCAAATGAATCAGGACCTTCTCCAAGA
GAGGTAGCTCTGCAAAACACACGACTTATTCTTGGGCGGGTCTCGATAGCTGCATACTGGGAAAGAGGAGA
GAATATAGAAGGTTGGTTTCTTTTGTCAACAAGTATTGGGAATCCTTAAGTCCACGTCTCTGTAAGTAACTTCTT
TATGTAGAGGCAATGTATATATATATACACGTCAAGAATTAGTTTTGTAGCTAGTGTTGAATTATATTATGTAG
TTCTAGCAAGCTGAGATCCTTTCCACTCTATTTAAGCTTTGTAAATGTACGTGTATCTTCTTGCTTACAATGTTA
ATTTTTTCTATTTCCATTTTCCCTTAAAAAGCTGTTTGGTGAATCAAATGTAATTCAAAATTCATGTTTGAACC
ACAAAACAAAAACCAACAAAAA

>trans_s_12274NM_001059836|Oryza sativa Japonica Group Os04g0513000 (Os04g0513000)
mRNA, partial cds

AGCTCAGAAAACCTTTCCATTTACTTAGGCTGCCAATTTCCAGTCCATGAAAGTGGAAATTGGGTAAGCCGAAC
GAGGAATGAAGCAAAAACAGGGTCGGTCTAAGTCATTGTCATCACCTATCTCAAACCCACGATGCAAAATTT
CCATTTTTATTTCCCCCACTAAAGATCTTTCTTTATAAATTCCTGTTTGGCTCTCAAGAAAACGAGCGAGAAA
CTCTAAGAAAGTGACGCCGTGTAATTTCCATTCATCGCACAAATATGAGTAGTAGGATTACGTCTTCTGTTTC
CTGGTCTCCCTTTTCGCTTGTAACCACTAAACCAAAATTACCCATTATTCATCTCCATCTCTCCTTCCATTTCTGCT
CCTCTTCAACTCCTTCAAATCTCCAATTTCTGTGGAATTTACATTTTCAACCAAATGGGTCTTCCAGATTATTAGC
TCGTTGCAGCTCTGGTGATGGTGACAGCAGGACCATTCTAGATGCATTTTTTTGGGAAAAGCTTTGGCAGAA
GCCTTAAGTGAAGCAATCGAGTCAACAATTGGAGAGGTTTTGAGTGGGATTGGTAAGCTGCAAGCTGAACAA
CAAAAACAAATTAAGTATTTCCAGGATGAAGTGATAGAAAGAGCTAAAAAGGCCAAGGAAAAAGCAGCACGT
GAGGCCAAAGAAGTACAACGACCGTTTCTCTTCTCAGTAATATCGCCTACAATCGAAGTTTCTTCGTCTCCAAC
TTCTTCAAGTCCCGACGCAGATTGAGAAAGTGGTGTGAATCAGGATCCTCCCTTGGTGACTAAGAGTAATGG
TCACTGTGTCACTTTCTTGGTTATACTTATAGGGAATGTAACTATTTATCGATGATGATAATTAAGTTATTT
GGCTTTGAAATCATATAGTAATTCCTATTTAAGTTTATGTCTATTAGATATCTTATGAGTTTCTTGACATTGAA

AGATCAAACAACCTGATTTGTTTAGCAAGAATATTAGGGGATGTTTGACTTATGGGTTTGAAATTTAAAGGTT
GACATTTGAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12275XM_002869052|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cyclase family protein, mRNA

AATTCAACTTCCCCTTGCCGATCATGAATCTCCGCTCATCTTTTCTCCTCTTCCTTTTGTTCCAGGGTCTCCTCCTT
CCCGCCGCTTCTTCCACTTCAGCCTACCCTTCCGTTGTCGATACCGGACCAACTGATTGCTCACTTTCCGACGAC
GGCCTCACTCCTATTGCGCGGAGGTGTACGATAATGGAAGAATCATCGACATCAGTCATCGGTTCACTACAG
ATATGCCGGCTTGGAATCTGACCAAGGCCTTGCCAGTTCCTCTGGCTTCCTAAGAGCATGAAGAATGGCTC
GCTTGCTAACAATTCTGAAATGAAGCTTCCGGCTCACACTGGTACCCACGTCGATGCACCTGGTCATGTTTTTG
ATCACTACTTCGACGCTGGTTTCGATGTTGATACTCGATCTGGAAGTTCTTAATGGTCTGGACTGTTGGTG
GACGTTCCAAGAGATAAGAACATTACTGCTGAGGTGATGAAGTCTTTAAATATTCCCAAAGGAGTTCGTCGTG
TACTCTTCAGAACATTAAATACAGACAGACGTCTCATGTGGAAGGAGTTTGACACAAGTTATGTAGGATT
TATGAAAGATGGGGCAAAATGGCTTGTAGAGAACACTGATATCAAAGTGTGAATTGACTACTTATCAGTT
GCTGCATTTCAAGATCTTATTCCATCTCATCTTGAATTTTAAAGAGGCAGGGAAACCATTCTCGTCGAAGGTTT
AAAGCTTGATGGCGTCCAGCCGGGTTTATATTCAATCCATTGCTTACCTCTTAGGTTGCTTGGTGCCGAGGGGT
CACCTATCAGATGCATTCTAATTAAGTAGTATAGGAATTTCCGGTGTCATATTCTTTAGGAGTTATGTTAAAAA
GAAAAAGTTTCTTACACTTGATAGAGTTTAGTTTCAAATACAGTAGAAATGTTTTATCTCTCAAATAATCAA
GTTTAGATGTAAAGACTGCATGTTATATCTAATTGGTAGAGCTCAAGATGTTTTTATTCAAAGTGTGGAAG
ACATACAAAAATGATGCAACCATG

>trans_s_12276NM_102679|Arabidopsis thaliana COR414-TM1 (COR414-TM1) mRNA, complete cds

GGTTGTACGGGTGACAGTTTGGTTGTTGAATCAAAAACTAGAGAATCAAGATCACTGATTCAATTTCAATTTCCA
AATCCGAGAGAAGATAAAGGCCGAATCAAGCGAAGGAGGAAGAGGGGAAATGGTTTGTGTATCTCTATCTTC
TGCTGTTTCACTTACCCTCCTTCTTTCTACAAATCCAAAACTCTCCGTTCTCTCTCCCTAAGATCTTCACCGCC
GAATGCGAAGCTCTCGTTAAATCTGCCGCTAAACAGAGTTCGATTTGTTACAATCCGCTCAGGTTTGCTGTGCG
GTAGCGAGGGGATTGCGACGGCGGGGATTAACAAGAAGAAGAATCGTGGTTTAAGTGCTGCTTGTACGCTA
TGCCTGTTAACACTCGCACTCTTCAGTGGGTCTCAACCATATCTTGTGGTTTTAATGCTCGCAAAGGGAACT
GGGATTCAGAAGTCATTTATCGTTCCGCTATTTGCACTTCAGGCGCCTGCAAGTGTTATCTCTGGATTAAAGG
AGAGTACGGGATTTGGAGCGCTTTTCTGGCACTTCTTGTTGCACTGTTCTTCTTCATCCCTGGTGAATTGGAGA
TACCATTATATCACTACTTTTGGTGATTGTGGCCCCATATCAAGTCCAAAACTTAAGAGGAACTCAAGAAGGG
TGCATTATCTCCCTACTGATTGCAGCATATTTGGCCTTCCAGCATTTCTCTCGAGCAGGCAGCTTTCAGAGAGC
TTTTGATCAGAATTCAATTGTTGCAACAGTAGCAGTCATTTGTATTACTGCTGTTTCATTCTGTTTGTGATCTG
AGTTCCTTAGTCACTCCCAAGTAAACCTTACGGGTAAATCTTCAATAAACACTATTGGTTGTCCTGTAATAGTT
ACAGAATAGTTAGAACGTACAGACCTTCTTTTCATGTTTATAAACTATAACAAATGTTTATTTCTTTAGCTT
GTTTGATCTAATCATCATCCTGTTTCTCTTTTAGTTATCACAAAATTGCATTGGTTTGAACCTAGACTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12277AY297039|Hevea brasiliensis latex cyanogenic beta glucosidase mRNA, complete cds

AATCCCATTTTTCTTCACTCATCGATAATGCCGAAGAAGGAGGAAGTATTGGAGCATCATCAAGAGGATGCCG
ATGGTCCCGACGCTAAACCATTATCTCGCCATGATTTTCTCCCAATTTTCATCTTCGGCGTTGCCACTTCCGCTT
ATCAGGTTGAAGGAGCTGCCAATGAGGGGGGAGAGGCCCTTGATCTGGGATGAATTTACACATATTAAAG
GTAAGATCCTGGATGGCGGCAATGGTGATGTAGCGGTGGACCAATATCACAGATACAAGGAAGATGTTGAAC
TTATAGCAAATTTGGGATTTGATGCTTACCGCTTTTCAATATCATGGTCCCGCATATTTCTGATGGTTTGGGG
ACCAAAGTCAATCTTGAAGGGATTAATTACTACAATAACCTAATCAATGCACTTCTTGAAGAGCATTTCAGCC

GTATGTAACATTGTATCATTGGGATCTTCCTTTGCATCTCCAGGAGGCAATTGGAGGGTGGCTAAATAAAGAA
GTCGTAAATTACTTCGCAACCTATGCAGAACTTGTTTTCAAGTTTTGGTGATAGAGTAAAGAACTGGATTAC
AATTAATGAGCCTCTTCAAACCTCCGTGAATGCACATGGAATTGGTATCTTTGCTCCTGGAAGATGGAAAAATC
CATCAGTTGAACAATATTTGACTGCACACCACCAGACCTTGGCACATGCAACTGCTGTATCCATTTATCGGAAG
AAGTATAAGGAACATCAGGGAGGACAAATAGGCCTGTCTGTAGATTGTGAATGGTCAGAACCTAACTCAGAT
AGCGTTGAAGACAGGACTGCTGCATCAAGACGCCTAGATTTTCATTTTGGATGGTACATGCACCCAATATATTT
TGGAGATTATCTTGAAGTTATGCGTGAAGAACTTGGAGATAACCTCCGAAATTCAGTATGAAGAAAAAGA
GTTGATTATGAATAGCGTGGACTTTGTGGGTCTAAATCACTATACATCGAGGTTTATTGCTGATGCATCAGAG
AGCCCTGATGGTGGGATTTCTACAAATCACAAA

>trans_s_12278AF095454|Ricinus communis PII protein mRNA, partial cds

ATCGAAGCGGAAATTCCAACGTGAACTCTGAAACTTCCGATCGGTTTGTGTCATCACTCTGCTTCTACAATCT
CAACTCCCATGGCGGTGGCGGCTACTACAACGAACCTCACCGTTCCTTCTTCTCCTCGTCCACAGTTTCATC
CCTTCACTTCTTTCTTTTCATCACTCCCTACTTCACCCCGTCGGACTTTCTCACTTCAACCTCGCCAACAATCAC
CCTTCCAATCGCCAAATCCTCCCTCTCGTCAAAGCCACCCAAGGCTCTCTCGATTATGTGCCTGATTCCAAATTT
TACAAAGTGGAGGCTATCCTTAGGCCATGGAGAATCCAAAATGTTTCTTCGGCATTGCTGAAAATGGGTATTC
GAGGTGTAACAGTATCTGATGTGAAAGGCTTTGGTTCTCAAGGTGGCTCAAAGAGAGGCATGGTGGGTCTG
AATTTTCTGAAGACAACCTTTGTCGCTAAAGTTAAGATGGAAATTGTGGTTGTTAAAGACCAGGTTGAAGCTGT
CATAGACAAGATAATTGAGGAGGCCAGAATGGTGAAATTGGTGACGGCAAAATTTTTGTGATACCAATCTC
AGACGTGATTAGAATTCGCACAGGCGAACGAGGAGAAAAGAGCAGAGAGAATGACTGGAGGACGATCCGAC
ATGTCTGACAACAATCGAGTAACACAGTAAGAAAGAGAAAATGTTGGTGAGTTTGTAACTTTTGTTCATGGT
GTTGGCGGCTACCTTCCTCAGTTTGGTCCTCGTGGACATGAGAAAAATAAAAGAAATAATAAGTTATAAGCTG
TGTAATTCAGATAAGTTTATTTCTTGTAAACATCAGACTTGTAATATGTAACCTTCCTCATGTTGTCATAAAG
AAATGAACCGCATTAGGCAATAATCAACGCATAAGCTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAATAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCC
GCCCCCAAAAAGCCTTATAAACCCCCCCCACCCCC

>trans_s_12279NM_001054922|Oryza sativa Japonica Group Os02g0796300 (Os02g0796300)
mRNA, complete cds

TCTTCTGGGGTTGTGTTAAACGATGATGTGAACTGGGTCACGTTTCATAGTGGGTACGATTTTGGTTACTTGCT
GAAATTGCTGACTTGCCGTGGCTTACCAATGATCAGGCGGGTTTCTTTGAGTTGATCAATGTCTATTTTCCAG
TGGTTTATGATATCAAGCATTTGATGAAGTTTGAACAGTCTCATGGTGGGTGAACAAGCTTGCTGAATTA
TTAGAAGTTGAGAGGATTGGAGTTTGTATCAAGCAGGATCAGATAGTCTGCTTACTGCCTGTACTTTTAGGA
AGTTAAGGGATACCTTTTCAATGGATCTATACAGAAATACGCAGGTGTTTTGTATGGCCTTGGTGTGAAAAT
GGACAGCGTACTAATTGAAGAGAATTACAAAATGTTTTAGAAAGTGTGAGACATTTAGTTACTTCTGTACAATT
TGGCTAAAGCATTGATGATGATTGTAAGTGTTCAGCTTTCCTGCTCTGTAATAGAAACCTCCGACTGTTTTT
GCAGCTTAGTGGTTTCTGTAAATTATGTCAGTTAGTGTTCATAAGAATTTTATTGACGTTTTTTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTCAAACCCCCACCCCCGGGGG
GGGCCCCGGCCCCCATTCCCCCTAAAGGGGGGGCTAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACCCCCG
GACGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTAATCCCTTGGAACACCCCCCTTTCCCCCGTTGGGGAAAAA
AAAAAAAACCCCCCCCCCATCCCCCTCCCCACATTTCCCCCCCCGAAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGGAA
CCCCCTTTAACCGCGGGGGGGGGGGGGGTTCCCCCAGGGGGGACCCCTAAATTTGCCAGCCCCCTAACCCC
CCCCCTTTCGTTTTTTTCCCTTCCTTTCCCC

>trans_s_12280NM_001050565|Oryza sativa Japonica Group Os01g0708900 (Os01g0708900)
mRNA, complete cds

TGCTGAAGCATGAGGGTGTTCTGTTGATTCTATAAGCGAAATGGAGCTAGCGTTGTTGCGATTATTCCTTATGC
AGCTCTTCATTTTCATGACGTATGAGCAGTACAGATGTTGGATCTTGGATAACTATCCAGGCTTAGGTGTTGGG
CCTCATATTGATCTTTTAGCTGGTTTCAGTAGCTGGAGGAACAGCTGTTTTATGCACATATCCCTTGGACCTGGC
ACGAACAAAACCTGGCTTACCAGACTACTGATACAAGAACGAGGAACCTCTGGTTTAAGAAGTTATCACACTGAA
CCCGCATACAATGGCATCAAGGACGTTCTAGTGCGTGTTATAGAGCTGGTGGAGCACGTGGCCTCTATCGTG
GTGTTGGTCCAACATTAACCTGGAATCCTTCCTTATGCTGGCTTGAAGTTTTACGTTTATGAAAACTGAAAAGT
CACGTTCTGAGGAGCATCAGAGTTCATTGTGATGCGACTATCTTGAGGCTCTGGCTGGATTATTGGGGC
AAACGTTACGTATCCCTTGGACGTCGTTAGAAGACAGATGCAGGTTGGAGATATGCCATCTTCACTAAATGG
TCAAGTCAGATTTAGGAATTCATAGAAGGTCTTACGATGATCGTCCGTAACCAAGGATGCAGACAATTGTTT
GCTGGATTGAGCATTAACTATATTAAGATTGTTCTTCTGTGGCCATTGGGTTTGAGCATATGATAGCATGAA
GATATGGCTCCGAATCCACCTCGGCAGAAGACACAGTCGATTTCTTCTGCTTCATAAAACAAGCTCTCTCATG
TTGACGCCCTCTATAGATTGCCCTTGTAATTGGTCTACTGTTACATACGGTTGTGACTTCCACATGTGCTTGAAT
CTATAACGGGTTTTGGTTTGATTCTGTGTGTTGGTATTGTTCTACTTGTGGGGGAGTAATCTTTCTGTGCTTAG
ATTATGTTTTCTCTTGAATTGCGAAGCTCTGAATTTGAATATTCATTTTAAAATTTTTGCTTCGGAATTTCCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12281XM_002318584|Populus trichocarpa 5-formyltetrahydrofolate cyclo-ligase (5FCL),
mRNA

ACCGGTAAATGGATTTCAAATTCGACCATTGGTTCTAGGTTGACGAACCAGCTAAGTCCAGCCGGAGTACAC
TTGGGTCGGAGCCCAAAACACAGAAAGTGGGCAATTTCCGAAGCCCCAATGCTCCGAAACTATAAACCATTGT
TGCCCATTCAGCAAATTCAGTGTCAATCACATCCAATCTTCAGCTTTTCAACAATCCCTTCCGCCATTATCGC
GTTTCTCATCTGGGTGTCCAAAGATGGCGACAAACGAGAGTATCAAGCCAGAAAATGAAGACCAATTGAAAC
ACATATTTGATCAGAAACGGGTTCTTCGATCCAGCGTTGAAAGGCCCTCAAAGCCATGGACCCCTCTCTCCGA
TCCCAGGAAGACAATGTAATTCAGAGTATTGTCTTGAAGCTCCGTGGTTTAAATCTACTCAGAGATTATGTGC
TTATGAGAGTTGCAGTGCGTTAAGGGAAGTTGATACATCGAGACTATTATCAGAGATTCTTCAACACCCTCCTA
AAGATGGTTATTGCAAGAAGATTTATGTCCGCGTGTGGAGGACAAGAATAGTCACATGCGGATGTTCAATAT
TTCACGTATGGATGATCTTATTGCAAATTCATGAACATCCTAGAACCAGCTCCAGTGGATAGTGATGGAAAT
GAACGTGAAGATGTTATGCAGACAAAAGACCCATTGATTTATTTCTTTACCAGGACTAGCATTTGACAAATC
AGGAAGACGCCTTGGCCGAGGGGGAGGTTATTATGATACCTTCTAAAGAACTACCAAGAACTGCAAAGGC
ACAGAATTGGAAGCAGCCCCTCTTGTTGCACTGTCCTACTCAGTGCAGATAATGGATGAAGGAATTATACCA
CTCACTCAAAGGATGTTTTAGTCGATGCTCTGTATCACCGTCTGGTGTGATTCCCCATCACTCAGCTGCATTG
GACATAATGAAAGTATGACACTGGACACAGATCAGAATTATGACACTGGACACAGATCAATCTCTTAAACAAA
ACTTCTTTGATGAAATCCTTGAAAATCTGG

>trans_s_12282NM_127130|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein
(AT2G15690) mRNA, complete cds

CATTCGGCCGGGGTGATAATTGGCATAGGAAGAGATGACAAGCTTATTGAAGTTATTCAGAAGCTGTTCTG
GAAAGCGACCATCCAAAAACACTTCCTTTCCATACAAATCAAAGAAAGGTCCAATTCTTCTCAACCTCTTCAA
AGCACTTCCGCCAAACTTGGAGGAGATCAAATGGGCGTTTGAGAAGTTTGACTCGAACAAGGATGGAAAGA
TCTCATTTGAGGAGTACAAGGAAGCTCACCGAGGCTTGGCTGGAAGCAAAGAAATCACAGACGCAGAGGCA
GAGAAGTCATTCAAGCTTGTGGATGCAGATGGCGATGGATTCTGGATTGAAGGAGTTCGTGGAGCTGTAC
ACGATGAGCAGCGGGGAAGTGAAGGTGGGTGACATCGAAAGTGCCTTCAAAGTGTACGATTCCAATGGAGA

TGGGAAGATAAGCGCAGAGGAGGTGATGGGAATCATGAAGATATTGGGAGAGAACACCACCTTAAATGCTT
GCAAGCAAATGGTGAAGGGTGTGGACATGGATGGGGATGGCTTCATTGATATTCAAGAGTTTTCTAAGCTCA
TGGATACGTACTIONGAGTAAGTTTCAAAGTAAAGAAGCTAAACTATAGTGTCCGTTTGGTAACCATTTCAAT
TATTGTTTTAGAAGGATCATTTACATTTTTCTCAAAGTGCTATAGTTAATTTCTTACTTAATTTTCAAAAAA
AAAAAATAATAAATGGTTAACAAACGAGACCTACACGTACCTCTAATTACATGAATTTACATGAATGGAGG
TGGAAAACAAAAATTCTAAGCTATGTTTGAAGTTTGTATCCAATAATTAGGAGGATGGTTATATTATATTGTGG
CAATGTTGTTGATTAATGTGCCACTACTAGTCATTATGCAAAGTGTAGATTTGTGATGTAATTTTTGTAAAGTTG
TCAACATCTTCAAACGGTGAAGGGTTCGATGTTGATAGTGTGAATTGAAAATTTCTATTATGTAAGAAAATTG
ATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12283AY052713|Arabidopsis thaliana AT3g04350/T6K12_3 mRNA, complete cds

TGGGAACACTTCACGCTTCGAATCTGCAACTTTTCTGGGGAGCTATGGCAAGTGTACTTCTCAGAGCATAGCG
GTGGGAAATGGGTGGATGCCTCTGACTTGGAATTCATTCAAGGCAATAAGCCAATCGTGTATTTCGTCGAAACA
TGGTCATGCTAGCTACCCGCATCCTGGGAGTTATCTTCAGGGTTCAGTAGCTGGAATTGGAGTGAGGAATGAT
GCAGCTCGGAGCAAGTTTTTTCATTGATTGAGTTCTAAATATGAAATCATTGCTGCTGAATATCTTGGCGATGG
CTACATTGCTGAACCAGATTGGTTACAGTACATGAGAGAGTGGGGTCCAACCGTTATGTATAATTGAGATCA
GAGATTGAAAGACTAATCGATCTCCTCCTCCATTTGTCCAATTTTCTTGAAGATCTACTTGCTCTATTCCCG
ACCGAGCTCTACGGTGAAGAAGGACCAACTGGACCAAAGGAAAAAACAACCTGGTTCGGAGATGAAAGGTG
CTAGAGATATACATACAGATTCATCAATTAACAACACCACAACATGAATAGCTATCAGTTAACTTTCTAAAGTG
GCCGTTTCTTCATCGAAACACGGTGAAGTGAGTAGATAGGTCAAACATTTAGCTCCATTATTCTGTTACAGT
TACTTGCTGATCTCGCTGCAGATACAACTCTGAATTCGGATTTGAGGGGATTGCGTCATTGAGATCAATTGTA
GTTTCGCCTCGGCTTGCAGAAAGGGAGTGTGTTGTATATTTTCATTGTAAAAGTATTTAAGTTTATAGTTCATGG
AATGAAACGTTTAGAAGTTCAAAGAAAAGAAGATTGTGAAAGAATGAATAAAAGAAATTAGGCTTTCTTATG
GATACACGATATAATTGTGTTGATATATAGTTACTATTTGATTGAAATTCAGCAAATTTCAATTGTCATAATTTA
ACATTCTATTGGAATGAAGTTAGGTATGTTTACCATCTCGCAATTATAATGAATGTGACCTGGGAAACACATTT
GATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12284DQ074476|Malus x domestica MYBR5 mRNA, complete cds

ATTTTTCTCGAACCTCCCGCTTCGTCTGAGCCCTGATGTAGGATCCCTACGAATGGCCTTACCCTTCGAGTCTGT
TACCACGTCTTCGAGAGATGACCTTTGAAGAGAGCTCGTAAGCCTTACACCATCACCAAGTGTAGAGAGAGC
TGGACCGAGCCAGAGCACGATAAGTTCCTCGAAGCTATTCAACTCTTTGATCGCGACTGGAAGAAGATTGAA
GCTTTTGTGGATCGAAGACTGTCATTACAGATACGTAGTCATGCTCAGAAGTACTTCCTGAAGGTTGAAAAGA
GTGGGACGGGCGAACACTTGCCTCCTCCACGACCAAAGAGGAAAGCTGCTCATCCATATCCTCAAAAAGCTTC
GAAAAATGGTGTAGCACTAGTGACAGTGCCATTTCAATCTTCTCTGTTGAACCGAAATATAATATAAGCCA
GATTCCTCTTCTGCTCCAGCCAGTTTCATTTCTGCTACTGCCATGTCATCTAGGGCAGATAACTCTATCCAGACA
GTCAATTTCTCTCAAGGTGCAAGAGGGGCAAGTAATAGAAAACAATTGTAGTAGTAGCACGGACCGCACTACA
AGAACACGCTTTCCAACCAAGTCAAGCATCGAGGAACATAACAACCTTCAGTTGAGAGTACTGCCAGATTTTG
GGCAAGTCTATAACTTCATAGGCAGCGTGTTTGACCCGAAAGCCTCAAATCATTTGAAGAGGTTAGAACAGAT
GGACCAAATAGACGTCGAAACTGTGCTGTTGTTGATGAGGAACCTAGCCATTAATCTCACCAGCTCCGACTTT
GAGGACCATGTGAGTTTATATCCTCAATAACGAGAATATGCTTTTGCAAAAACCTATGGGGAAAATCTGTTTG
CCGTTTGAATTCATCACCTTGACGATCCTTTTATTTTGCCCTTAACCCCCACCCTTAAGTATACTGAAATAAGAA
ACATTCCATTCTCGAGAGAACGTGCTTCTATTTATTTTCTAACTTGTTTTTTATTACATATTATCTTGCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12285DQ279911|Malus pumila CXE carboxylesterase (CXE10) mRNA, complete cds

ATCACTACTCTCTCCCATGGCTTCCACTGAAATTGCCACAACCTTTCCCCTATGATTATCGTTTATAAAGACGG
TCGCACCGAAAGACTCGTCGGCAATGAATTAATCGATCCCTCTCTTGACCCTTAACAGGCGTTGAGTCCAAG
GACATCATCATCTCGCCCGAAACCCCGTCTCTGCTCGGATTACAGGCCAAACCCACCGCAGAACCTCACAA
GCTTCCTCTTCTCATTTATTTTACGGCGGCGGCTTCTGCATCGAATCAGCATTCTCTCTACCTATCACAACCAT
CTCAACTCCTTAGTCGCTGAAGCCAACGTCATCGCTATCTCCGTCGAGTACCGGCGAGCTCCGGAATACCCACT
TCCGATCGCTTATGAAGATTGCTGGACTGCTTTGAAATGGGTTGCCGCCACTCGGCTGGAACCGGGCCAGAG
GAGTGGTTGAATGAAATTGCAGATTTGAACCGGGTTATTTGCCCGGAGATAGCGCTGGAGCCAACATCGCT
AATAAAATGGCGATCCGGGTGCGAATCGAAGGGGTGGCCGGGTTGAATCTGAAGGGATTGATGTTGATTGAT
CCTTATTTCTGGGGAGAGAAATTGATCGGAGACGAAGAGAAGCTGAAGCCGGAAGATAGATGGTTTATTGAG
AAATTGTGGTATTTGGCTTGCTTACGATTAGCGGGTTAGATGACCCGGTTGTGAACCCGGAATTTGAACCGA
AATTGGGGGGGCTAGCGGCGGAGAGAGTGGCGGTTTATGTGGCAGAGAAGGATTCTCTGAAAGACAGAGG
ATGGTTTTACAGTGAGTGGTTGAAGAAATCGGGATGGGGCGGCGCTGTCGAGGTGGTGGAGACGAAAGGCC
AAGGCCACGTCTTTCATTTGTTCAACCCTACGTCAGACGACGCGGTTGATTTGTCGGAAAGCTTGCGACCTTC
ATCAACGGCGGATCCCGAGATTGAGCAGATAGGAGGATAAAATAAAAAAATCAGCTCCACCTCCACCTCCACC
TCCACCTCCACC

>trans_s_12286BT015114|Arabidopsis thaliana At5g41860 gene, complete cds

TTCTTGCGATTGCAGCCATAACCATGGCGAAACTCACCTAACCTTCATTCTTCTTCTCGTCTTATCTCTTCCT
CACTCGCTCGCGATCTCAAAAATTTACCGGAACATGCAGAGGCCCTCCCCTTTCCGTCATTGAATCCGCTGAG
GATTCCGATTCCAAGGCCTCGATCCTCCTCCCGAGCCAGAAATTGTCCGAGAGCGAATTTCCAAAATCCATACC
AGAGACCGATCAGGTACGCACCCAATCCAATCCTACTGAAATCACTACTCTTGATACCATAGACACCGTTGCA
GATCCGGTAGTTATGATCACTTCCGTCCAATCAACCGTCAATTCGGTCAAGATCGGTGCCGCTGATGTTCCG
GAGAGGCCCGCCGCGGTTGTCAACCACTCCGCAGCTTGAAACCGTGGAGATCAATCGATCGAGTAGAGGGAAT
CTCATATGAAACGACATGATCGTACCTGAGGAGCGATCGAGCCCTAATTCTGGATCGAATCGAGAAATTGCA
ATTCCATTGAAATTGAGTGGGTTCCGACATGTCGGACCGTGGGAGGGATCGTACATTGGCGATTGGAAGGAA
GATAAGAAGGATCTCCATCATCACCATTCCATCACCAACACCATGAAGGTGAAGAAGATCATGAACACAAAG
AAACGAGCGGTTTATTGAGGAAATTCGGTAAGTTTTTTGAAGTATTTGGAGTTGTGAAGATACAAAATGAAACT
ACAAATGATATGATAATCTGTTCTTCAGGTTTATGTATTTTCTTCTTGATTGCAATAAGGTAATTAGCGTTTT
ACATAGTTCTGTATAGGATTTTGAATCCTTAATTATGTGTAATATAATAGGGTTGCTTTTGATATGAGTGGGAG
TGTGTAACCTCACTTAATTAATTACAATAATTATGCATAATATATGATTTGGGATGTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_12287AY661558|Hordeum vulgare subsp. vulgare eIF4E gene locus, complete sequence

AAGTTGTATCGATCATCATAATGTTGTAGCACTGGTGCATGATTTTGATAGGGAAATATTTTCAGATATCAATTG
CCAGAAGAATTATTTGTGTTCTACTGTCAACAACATTGTGCCAAAAGCTGCTGTTTCACATATACGTATATAAA
GATATATTATATAGATGATGTATAATTGCAAACCTGGTAGATTCTGGAACCTCTTTAACTAGTAACAAGAATAT
TATTACAACAGCTACGTTAATGTGTATTATAGGTAGGATTTGTCCGACTTCTAAGGCTCACTCTGCAGATTCAA
AGTAGAATCATTTCCAGGAAATCTTTATCTAACTATAATGCATGTGGTATTCCTAATTATAATGCATGTGGTATT
CAACATAACACGACAGTGTTTCATTTCTACCTACGTCTCAGTATTGCAAATGAATGCAGAATTTTTGTAATGGTA
CTTAATATAATCATGAGCAAGCCAAGAGAATTTAGCCTTTAGCTGGTGAATAGCTGGAAAATAGTCTATAT
ATATTCTCTATTGATGAGTCCCATCATCTGAAAAGTATTTTCTTTGGAAATGTTGCAAAAGGTACCTAATATGC
TTTTAGTTAAAGAAGAAAAAAATTCACAAGCATAACATCTTAGTGGAATAAACAAGCAATTGGGCAATTC
AACCATGGAAAATTTGGAAGAACAAGCATAAGCATGCTACAATAAAGAGTAATTCTCATTCAATACACCAT

TTATCATACCTAAATGGGTTTTCAAAGAATGAAAAATATGAGGTCAACTATATCGGCGAGGAAAAATGGAAAA
ATGAAAGAAATGAACATAGCACGAAAAAATTTATTATCCGAACGAATGTCTATCTAAAAAAGATTCAACTAAC
TAGGCCAGAGTAGAATATTAATAAAATTTAGTATGAAATTTAGCATTGGCATGTCACAATCACACGACATAAC
ACATAAAGAACGTCTCTCTATTCTGACAAAAGACTCACCTATTCAAATCTTTATCAGAGATGTCCAATACATA

>trans_s_12288NM_117299|Arabidopsis thaliana amine oxidase/ copper ion binding / quinone
binding (AT4G12290) mRNA, complete cds

ACGCTTGTGGCGAGGATGGCGGCCTCTGTGGCCAATTATGATTATATTGTCGATTGGGAGTTTCAAACAGATG
GACTCATCAGAATCAAGGTGGGTCTAAGTGGGATTAATGGTGAAAGGGACATCATACGAGAACACGAACC
AATTCGCCGAGAGAAGATCTCCATGGCACACTGTTATCGGAAAACGTAATTGGAGTAATTCACGATCACTACAT
AACATTCTACTTGGACATGGACATAGACGGCTCCGACAATTCATTTGTGAAGGTGAATCTCCAAAGGCAAAGG
ACTTCTAAAGGAGAATCTCCAGAAAAAGTTACTTGAAAGCAGTGAGAAAAGTGGCCAAGACCGAGAAAGAA
GCTCAAGTTAAGCTTAGTTTGTACGACCCATCGGAGTTTCATGTGGTCAATCCTTCGGTGAAGACTCGGGTGG
GTAACCCGGTCGGGTACAAGGTGGTTCGGGCAGCCACCGCCGGGAACCTGTTGGACCTGGACGATCCGCCGC
AGAGGAGAGGAGCGTTTACGAATAATCAAATTTGGGTACGCCGTATAACCGGAGCGAGGAGTGGGCTGGC
GGCCAGTTTGTTTACCAAAGCCACGGCGAGGATACCTTCAAACCTTGGTCCGACCGGGATCGTGAGATAGAA
AACAAAGACATAGTTGTGTGGTACACATTAGGGTTCATCACATACCATGCCAAGAAGATTTTCCAATAATGC
CAACTGTGTCAGCAAGTTTCGATTGGAAGCCTGTCAATTTCTTTGAAAGCAATCCAATTCTTTCATTTCCACCAA
ATACCTTTGAAGACCTTCTGTTTGCAAGCCTGCTGCCTCAGCTTGATTAACACCACTAGACAGTATTATTAATT
CTCTTGTAATGTTACTCTTTTATCACTATTCTCTGTAATGTAATACTAATTAACCAATTATCCGTGATCACATT
ATCCAAATTTAGTTTTTATACTTTTAAATCTATAATTTTGGTATTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_12289NM_125038|Arabidopsis thaliana OXS3 (OXIDATIVE STRESS 3) (OXS3) mRNA,
complete cds

TTTAAACCCACACAAAAAGGAAACATTTTTTGGTCAATACCCCTACACCTCTCTGTTGCTTCTATTTTTAACTT
CATCCCCTTATTCCTTTTCTTCTTCAAATTATTTCTTTAGACATGGAAGGCAAAGAACAGATTATTGAAGATTTT
GAAGCCATGGAGTTGAGGGAACTCAATTGGGTGATCATGGAAAGTAGAGAAGATGAAGTTTTGGAAGCTTTT
TCAACTTCCACCATTGATTCTTCTTCGATGAATCCATAGAATCTTCTGCATCAGAATTGTTAGAAGATGCATCG
TCGTCTTCTTAACCTCCAATTCTCGTCGTCGTTGTCGTTGTCGCCATCGTTATCGTCATCGGATGACGGACCT
CTCTATGAACTCTCGGAGCTCATGGCCAATCTCCCTATCAAGAGAGGGTTATCAAAATTCTACAATGGAAAATC
ACAATCATTTACATCTCTAGCAAGTGTAAGAGCTTGGAAGATCTTGCAAAGAGAGTGAATTATAACAATAAT
AATTATTATAATTATCAAAGGAAAAAGATGAAGTGTGTAAGAGCTATGGAGGAAGTTTGGATGCTCAAAAT
CTTCTAATTATCATTCTCAAAGCCTTTGATTGCTAAAAAGTTTCAAAGCCTTCTTCTTGTCTGCTTCTGTTTG
TAGTAAGAGAAATAATAGGTCATTTTGATACCCATTGTTAATGCATCTTCTTCTCCACACACACTCGTACTTAGA
AGGGTTAAGCTAAGGCTATTTCTATCTCTCTCTCTTTTCTTCTTTTCCAATGATTTTGAGCCAAAAGTGGTT
GACTAGTTTTTCGTGAAAGAGTGATTTTTTTTTTTTAAATAGAAGCGATCGGTGAATGGTTGAATCTTAGTAGA
TCATGACAACAAGGTTTATTATACCACTTACAATACTCTTGTACGTATTTAGATCATCTACAAAGGATTCTAT
CAATGGCAACAAGACATTGCTATCTTGTGGAAGAGTGATTTGAAATAATGGGTCCATATCTC

>trans_s_12290BT012244|Arabidopsis thaliana At1g34010 gene, complete cds

CATTGTTGGTGGACCGAGACCCTGACGTTAACATTAGCTGGCTTCGACAAAGACGTGGATTTCTGGAGGTG
CGCTCCCCCTCCTTCGTGCTGCTTCCGTCATAATCCTGCAGAGCCAACAACCTCCGTCTCCTTTGAAGAAACC
GGCCACTACCCAGCGCCAAGACAGTTTAAGAACGTCTCCTATTTCTGATAATGGAAAGAATCATGTTCTAGTT

CAGATGAGGATAATCTTGCAAGAAAAATGGTGCTTAAAAGTAGCTTGAAAAAACATCAGATGCTAATGTAG
ATTCTGTTCTGTAATGCTGATGGAAATGAAGCAACAGGAGGAAAGGGTAGTTGTGATTCTAGTCATGTAGAAA
GAAGGAAAGTACAGTGGACAGATACTTGTGGAAGTCAGCTTGCTGAAGTCAAAGAATTTGAACCAAGTGAAA
TAAATGCATCTGATGATGAAAATGATATGGGGAAAAGAAGGTGTTTATGCAGTATCATGTAATTCATTCAAAA
CCCATTTTTACAATTGGTGACGTTGCTCAAGATCCTCAAAGATATGCTGACTTGAATCAAATCAAACCTGTTG
GCTCGAGAATTTTTCATGACAGAGGGGAACTGTGTCAGAGATTTTAGACATGGAGGAACCATCGGAGGAAGT
TTGTTGGTTCCCATGTTCTTCATGGTGATCATTTATTCGTGGTGGTCGTGCTGATTTTTTCAGTAAGTTTTCTTT
TCTTTTTTCTTTTTGTAATTTTCTATTCACCTGGATGAGCTTCAATTTTAGCAGTTTTGTTGCTTTTTTACTGT
GTATCGTCACTTAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTACTATTTACTCTGTTTCTTCGTGGCTTTTTCTCTCTATATGA
ACAATTTTTTGGTATATTTCACTGTTGAGTATTTAGAAGGAAGCTTCTTCTAGGGGCTTTGTTGGTTGA
TCGCGATTAAGATAAAATTAATTATATGCAATGGCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12291NM_105566|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein
(AT1G68920) mRNA, complete cds

ATGGTAAACAGGCATCTCAACCTTCTGATCCTCCAAAGGAAGAGTATATTCATGTTAGAGCTCGAAGGGGCCA
GGCAACAAACAGCCATAGTCTTGAGAGAGGGTAAGGAGGGAGAAGATCAGTGAGAGGATGAAGTTTCTTC
AAGAACTAGTCCCTGGTTGCAGCAAGGTTACTGGAAAGGCAGTGATGCTTGATGAAATCATCAACTATGTCCA
ATCACTGCAACGACAAGTCGAGTTTTGTCAATGAACTTGCTACCGTAAATCCAAGGTTGGATATAAACATC
GATGGAGTTGTAACCAAAGATATTCTTCAATCACGAGTTGGTCCATTGTCGACATTGGGATTTTCTTCGCATAT
GCCCCGTTGCTTGTCTCCACCTAATATTTCTCATCATGAACTTATCCCAAGCAATTTTCTGCCATAGGGAGCTC
TGAGATGTTAAGAAGCACAATGAATTCTCATATGACTCAGAGGTCTGGTGGATTTAAAAATCCTTCTCAGATA
AAGAATGTGTGGGATGGTGAACCTCCAAAACATTGTGCAGATGAGCTTTGGGATGCCCACTCCCCAAATTGTT
AGAAGTTGAAGGATCTGATTCATCAGGCAGAACAAAATTGAACATTGAAATTCTTCTTGATTGCCAAGAACC
ATTTCTGCTTCTTCGTGTACAGGTGCATTTGTGTTAGTTTTAGTACGAGAGTCATCGCCGCGAACTATTTCTTCC
TCGTGGTAAAATGTGAAAGAAATTGTGAGATTTAGTTGTCCAATGTGATATAAGAAATACCATTACTGTATTTG
GAGCTGCGCTACTCTAGCGGTAACCTGAATCGGAGCTGCAGATACTAATCGAGGCAGAAAATTGCCCTGTGA
CAATCACCCAAAACCTCAATGACCCGGTAGAGTAACTAGTTTCCAATCTCATTAGTTCATATTATAGGGGAGTCC
TTGCCTTAGTCTTTGTATAGAGGGGTCAGAGGATTCGATATCTAAAACCAAGGACAGCTTGAACCTATTGTG
TTTTCT

>trans_s_12292XM_002517166|Ricinus communis Acyl-CoA synthetase, mRNA

AGCCAAAGGCCGAGGATTTTGATCGAACGGAGTAATGGAAGGCCAAAATCCGAAATGGAAGGTTGACCGA
AAAATCAAACCTCAACTACAACCTCAACCAATTGAATGTGAATGCGTTTTACGTTACGTCTTCTTCTACTGATT
GTTTTCTTGCTCATCATACGGATCACAACTTCTGTTTGTGGATAATCGAACGATTAATTTTTCTTTCAAATAAT
CAGAAAGCTATTATCCGAATCGCTGTTGCCGTCAATTGTACCGTCACCTACCTAAAGATGCGTGCCTGTTCAATTA
ATCTATCCGTGATCGGCTAGATCTGTAGTGGCGGATTGAAATCTTTGCGTGCTTATGGATTCTCCAGCGGCTCG
ACGTCGGATACAAGCCATTAGGATCATCTTGTTCCCGCCGGCGAATTCTTCTTCTCAGCTCCGGCTTAATG
CAACTGCTGGCGAGTTTTTTAGCGGGGATGGCTACAGCGTTGTGCTTCCAGAGAAATTGCAGACTGGAAAAT
GGAATGTATATAGATCTGCTCGCTCTCCTTTGAAGCTTGTGGATAGATTTCCAGATCATCCGGAATCCGATGTGA
TTGCACGATAACTTTACGCGCTCAGCTGATGTATATAGAGACTATAAATATCTAGGTACCCGAATCCGATGTGA
TGGAACAGTTGGAGAGTACAAATGGATGACATATGGAGAAGCAAGTACTGCTCGGACAGCATTAGATTCTGG
TCTTGTAATCATGGTATACCAAAGGGATCTTGCAATTGGATTATATTTATCAATAGACCTGAGTGGCCTGTAG
TTGACCATGCCTGCTCAGCGTATTCTTACATATCAGTTCCTTTATACGATACTCTTGGTCCTGATGCGGTCAAGT

ATATTGTAAATCATGCTCTTGTACAAGTTATATTTTGTGTTCTCAAACATTGAATTCTTTATTAAGCTTCTTGTC
AGAAATTCCAACCGTACGGCTGATTGTGGTTGTAGGTGGGCAAGATGATCAAATACCATCGCTTCCATCAT

>trans_s_12293XM_002874219|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNA methyltransferase-2 (DNMT2), mRNA

AGGCGTAAATGGAAAAGGTTTTCCCGAAGCTGCAAGACGAACCATGGAGAGTCCTCGAGTTCTACAGCGGCA
TTGGTGGCATGAGGTACTCGCTGCTGAGTGCTGGCATCCATGCGAAAGTGGTACAAGCTTTTGATATTAACGA
CAAAGCAAACGATGTATACGAACACAATTTCCGTGATCGTCCATACCAGCTACCAAGCTCATGTTTGGCTTCTT
TCACCTCCTTGCCAACCATATACTAGACAAGGTCTACAAAAGCAATCTGGCGATGCTCGGGCGTTTTTCATTCTT
CAAAATTTCTGAGATGATGCTACAAGCATCAAGGCCACCACTAATGTTATTCATGGAAAACGTTGTTGGCTTTG
AGACATCTGACACACATACAAAAATGATTGAGATATTGGAAAAGGCAGGTTTTTCTACACAGGAGTTTATTTT
AAGCCCAATGCAATTTGGTGTCCCATATTCCAGACCGCGGTACTTCTGTCTGGCTAAAAGGAAGCCTTTATCCT
TTCAGAAGCAATTACATAATAATCAACTTCTTTGGTCTCCAAGCCCATTACTTGATAATGACGCTGACTTAGAA
AGCATTGAAACTCATGGATCGCAAGCGACTTCTGATAAGTTGTTGCTCTCTTGAGCCAATATGCAAGTTTCT
TGACCATTCCAACCATCGGGAGTTAAGTTTTTATGATGCCAGTAGTATTCAAAGTGAGGTTGCATTGGAAAAA
AACGAGGATCCCAATGAGCAAGTAATTGAATCTTTAATCAATATCTTGTCCTTCCGGTTTGATAGACAGATG
GGGCAGTGCTATGGATATTGTATATCTGATTCAAGGCGATGCTGCTGTTTACAAAAAGCTACTACCGATAT
GTGAAGGGCACGGGATCACTCTTGGCACCTTTTGAAGGCTGAACGGATGGGCAAGGCTCATTCTCTAAAGAG
CAGAAGCTTAGATATTTTACTCCTAGAGAGGTTGCTAACTTGCATTCTTTCCGAAAGATTTTCAATTTCCCCAA
CAC

>trans_s_12294NM_123906|Arabidopsis thaliana sodium:solute symporter family protein
(AT5G45380) mRNA, complete cds

ATTGATTGAAAGTTGGGAAACCTTACGAGATGTGATGCTTGAATGTTCAAAATGATCGACTTATTGAAAAG
GTTAACGAAATGAACCTAAAGTTACATGCTTTAGTTATGGCTCTACCTGAAGCAGAGAGAATTTACTTACTTGA
AAAGGAGAAAGCGAGGAAAAAGGACTTGTTAGAAATACATGATCATTCTCCATAGCCACCTGAAAGAGCAGA
TGTATTTAGAAATTTTATACATATCTTGTAATTTCTAAGATCCTTTCACCATAACTAAAAGTTACTTGAAAGTTAT
CCCAAGACTTCATGAGTGTTACTTCACCAGATCTAGTGGTCCTGTTGTGTGGGCAACAGTTTAAAGTTAATTGT
TTATGTCCTGAGAGTAAGGGAAGCTTTGTTTGATCCTTGGTTTTGTGAAGTGTACCCATAAATACAAACATAG
CAGGAGGCTGAATTTGTTGTTATGAATCAATAAACAACAAAAAGATTCTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCGCCCC
GAAAAAGTTAACCAATCCCCCACCCCGGGGGGGGGCCCGGACCCCATCCCCCTAAGGGGGTTTAAATA
AGGCGGGGCCAGGGCCGGCTTTTAAACCTTCGGGGGGGGGAAACCTGGGGTTTCCCATTATCCCTT
GGAAAAAACCCCTTTCCCCCGGGGGGAAAAACAAAAAGCCCCCCCCGGTCCCCCTCCCCAAATTTGG
CCCCCCAAAAGGGAAGGGGACCCCCCTGGAACCGCCCATTAAGCGGGGGGGGGGGGGGGGTTACCCG
AGGGGGGCCCTTTCTTTTGCCGGCCCTTACCCCCCTCTTTTTTTTTTCCCTTTTTTTTCCCCGGGTGCG
CGGTTTTCCC

>trans_s_12295NM_100710|Arabidopsis thaliana DCP1 (decapping 1); m7G(5')pppN diphosphatase/
protein homodimerization (DCP1) mRNA, complete cds

AAGGAAGAAGAAAAACCTAATTTGGACAAGAGAAAAATAAGCAAAATCCAAAATCTTTTATTGAAAAATTG
AGATAAAGGATTAGAACGGAGAAGAAAAATAGTGTTGAAATTTTGTGATGTAGGGAAACTGGAAATCGA
GAGAATTGTTGATGATCTATATAATTCAGCCGCCCACTTCCATCTTCATCAGATTTCTCTCGTGTGCTTGCCTT

>trans_s_12296BT004772|Arabidopsis thaliana At1g09330 gene, complete cds

>trans_s_12297AY050388|Arabidopsis thaliana AT3g05640/F18C1_9 mRNA, complete cds

AATTTCAAAACGCAACCGTATTCTTTTCAAATGGTCCAAACTACCCATACAAATAGTCATTATTTTAAGGTCATT
ATCATACTTTTACACAAGAGGACACCGTACGGCTTGAAGCCCGCGGTGACGAAATATACATTCACGTAAAGAA
CGCTTTGGATTATACAACCTGAGAGAGAGAGAGAGAGAAAGAGATAAATAAGTAAATGGAGAATCAGCGTACGC
AAGGCTTCAAGTTTCCGACTAGAAGTTTTCTCTCGCCGGGAATTTTCGGATTCCGACCGGCGGAGATCAGTTTC
AGGAGGTAGTTTTGGCGGACCAGTTTCGATCGACATATAGAACTTTCCGCGTTGACGTGTGCTTGAACAATAG
TTCCGCGCGGTACTTCAGATTTGGTTCAATATTGATGGTGGTTTTTCCGGAAGTTATCGAGGAAATGGTAAGAA
ATATGTCGATAAAGAAAAAGAATAACAACAACAATAATAATGAAGACGATGGGAGCAAAGAAAAAATAGGT
AAAGAGGGAAAAAAGAACAATCCATGATTTGTTTATCTGGAAGTTTTAAACCAGCAAGTTTGAAGATATGG
CTTCTGTTTGCTCCAAGAGAGGAAATAAAGGAATTAATCAAGATTCTCTTGTTCTTTGGAAGGATTTTGGTTGC
CAGGCAGATGTGGTATTATGTGGGATGTTTGATGGGCATGGGCCTTGGGGTCACATGATTAGCAAACAAGTC
AGAAAATCATTACCTTCTCAATTACTACCAATATTCAAAAAACCTTTCCATGCAAACCGACCAAACCCATCTC
TTTCCTTTCAACCTGTGGAAGCAATCTTGCTTAAAACTTATGCCGCTATTGATGAAGAGCTCAAGCAACACCC
TCGTATTGATTCTTTTATAGTGGCACCCTGCCTTAACCGTCGTTAAACAGGGTCGACATCTTGTTGTTGCAA

ATGCTGGTGATTACAGAGCTGTCTTAGCAGTAACTCCGATGATGGGTGCTTTGAACCCAGTCAGCTCTCAGTT
GATTT

>trans_s_12298NM_001186673|Oryza sativa Japonica Group Os03g0701550 (Os03g0701550)
mRNA, partial cds

ACCATCCAATTAGTAAGGTTGCCATCACCCGTTAGGGTTAGGTTAAAAGAAATAAGAGAAAAACGTTTCTCAG
CGGCGACATTTCCCTACGCACTCTCTACCTTTGCGCCTCTCGACCTCTCGCGCCCATCAGCGACACGGTCTT
GCTCCGCTTTCTCCGACGCCTACACGCCGCCGGCTACGGCAGGTCAGTCTCTTTCTCTCTCTCTCTCTTTCTCC
CTCTGCGTGATTTGGTGCATAGCTTCGTTCAATTCAGTTTTTTGTTCTCTACCTCACAGCACTCTCTATATCCTC
TGTGTTTCTCTCCTGCAGCCGCACCCAGAACCTTCCAGTCGCCGCCACTCAGACGACGTCGGACATCGCTCAGG
ACAGTAGCCAGTCCGTTGGCCAGCAGGTGCTTTGCGACGTCAGTCTAGCTAATCTTATTGTATAAATGCCAAA
GAAGAAATCTTCTAAAACGCCTAAAAAGGTGCCAGAGAATGCATCTACGAAACAGGAGAAGTCCGATGCTGT
GGTAAAAGGTGAAAATCCCAATTCCGTAGTGAAAGAGGAAAAGCCCCCATCAGTAAAGAAACCCAGTGAGAT
CGATGAAATTTTTGCTGGGAAGAAGAGGAAAAAGCCTGAAGTTGCGAAGGCCGAGGAACCAAACTAGATG
TACAAGACAGACCGAAGAAGACAAAGAACAAGAAAAAGGATGAGGCTCAATCTAAAAATGGCTTTGGAGAC
CCACCATCGCGGCGAAGAAAGAAAAGTGGGGATGGACTTGCAATTTATACCGAAGAGGAATTGGGTTTTGGC
AATGCAGATGCTGGAGGCACCCCGCTCTGCCCATTTGACTGTAATTGTTGCTTCTAAACATCCTCAATGTTGCA
TTTTGATCAAGGTCGTTTGCTTCTAAACATCCTCAACGTTGATTTTGATCAAGAGGTCGTTTCTCTATAGTAAA
CATCTGTTACACCTTCATTTCTGTTATTCAATTTTCCAATTCGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_12299XM_002872218|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata TIF3B1, mRNA

AGCGATTGCAAAATGTACTGGCAAAGCAATGGGGATTATCTTGCCGTCAAGGTTGATAGATATACAAAGACA
AAGAAAAGCACATACACAGGGTTTGAGCTTTTCCGTATAAAAGAGCGGGATATTCCCATTGAAGTGTTGGAG
CTTGAGAATAAGAAATGACAAGATCATTGCCTTTGCTTGGGAGCCAAAGGGGCACAGATTTGCAGTTATTCATG
GTGACAACCCAAGGCCAGATATTAGCTTTTACTCTATGCGAAGCACAAACAACAGTGGCCGAGTGTCGAAACT
TACAACCTCTCAAAGGAAAGCAGGCCAATGCTCTTTTCTGGTCACCTGCAGGACGGTTCATTATTCTTGCTGGTC
TGAAAGGTTTCAATGGACAGTTGGAATTCTACAATGTCGATGAGCTGGAGACAATGGCTACAGCAGAGCATT
TCATGGCTACTGATATTGAATGGGATCCTACTGGAAGGTACGTTGCAACTGCTGTAACCTCAGTCCATGAGAT
GGAAAATGGTTTCAACATTTGGTCCTTTAATGGAAAACCTCTCTATCGAATCTTGAAGGATCATTTCTTTCAGTT
TGCATGGCGGCCGAGGCCACCATCCTTCTTGAGTCCAGAAAAAGAGGAAGAGATAGCAAAGAATTTGAAGAA
GTACAGCAAGAAGTACGAGGCTGAAGATCAGGACGTATCCATGCTATTGAGTGAGCAGGAGCGTGAGAGAC
GAAGAATGTTGAAGGATGAGTGGGACAAGTGGGTAAATGAATGGAAGAGATTGCACGAAGAAGAGAAGTT
GTTACGGCAGAAGCTGCGGGATGGCGAAGCCAGTGATGAAGAAGAGGAATATGAAGCCAAAGAAGTCGAA
GTTGAAGAGATTGATGTATCGGAGGAAGTTTTGTCCTTTGATTTTGGGCAGTAAATGCGGTGCTTAACATA
AATAACCTTATTGCATGCATGAAATTATTAGACCTCATGACCCGTGGCCCTTCCCCATCTCTCAAAATGCACAA
TTGGGAATTTTTCCC

>trans_s_12300AF170087|Cucurbita pepo silverleaf whitefly-induced protein 3 (SLW3) mRNA,
complete cds

AAGTCTAAATATGAATATCAAAATGGTCAAATTGGAGTGACATTGAATACGGATTGGTATGTCCCAAATTCAA
ATCATGACGAAGATGTTAAAGCTGCATCTCGGGCTCTTGATTCTTCTTGGGTGGTTTTTGCATCCTTTGGGTG
ATGGAGATTATCCAGCCAGCATGAGAGAACTTGTGAAGGAGAGATTGCCCAAATTCACAGAAGATGAAGTTA
CATTGGTGAAAGGGTCATATGATTTTCTTGAATAAATTACTATACAGCTAATTATGCAAAAAATAATCCCAAT

GTTGATCCTAACAAACCAAGCCAAGTCACTGATGCACATGCCGATGTTTCAACTGATCGAGATGGAGTTTCAA
TTGGTCCAAAGGTTTCGTAAAGATTCTTGCCTTGCAGTTTATCCAGAAGGACTGAAAGATCTTATGATACATATA
AAGCATCATTATAAAGATCCAACCATCTACATAACAGAAAATGGATATCTTGATTATGATGATCTCGACGTTGA
GAAATTACTTAGGGACGAGGGTAGAGTTAAATACTACCAACAACATCTCATCAAACCTTCATGAATCAATGAAG
GCTGGAGTAAAGGTAAATGGATATTTTGCATGGACATTACTGGATGATTTTGAATGGTCAAGAGGATATACTC
TGCGGTTTGAATAAACTACATTGATTTCAAAAACGGAACCTTTGGAACGAATCCCAAACTCTCGTCAAAGTG
GTTCTCCCATTTCTACGCAGTTGAAGATGATTACAAACCCCATCAAAACCTATCTGCTAAGCCTCCTTAAAAGC
TATTTCTAAATGCCATTATAATAAATCCTTAAAGCTATTTCTAAGGCATTATTATATTTAATGTTGTTTTGTT
TTTTATATTGCAATCTTGTTATTTAATGTTTTGGGTCAATAGAACAAATTACCTAAGCTATTGTGTTGTTTGA
TTGAGAATATATATGCTGCTTTTCGTTTACCCATTGGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12301NM_001061670|Oryza sativa Japonica Group Os05g0301600 (Os05g0301600)
mRNA, complete cds

ATTCATATTCTTCTTTTATTGCCTCTCTCTTCTCTTCTATTTCTCCTCGTCGCTCGGTCTCATCTCTTTTCTTTT
CCGCTCATCTCTGTTTCGGATCGCCGTTGCATGACAGCATTCGGCAGATCTTGGATCTCTTATCCTCCATCTCCT
CCTTCTCACACCTCCTGTTTTTGTTCAAACAGTCGTTGTTCTGGACGTTGACAAACGGTCCACAAAGAGGTG
AAGATGAGTGGAAGAAGTCAAAAAGTGCCGTGGGCGCCATGTGAAGTGGGATGAAAGTAATATTGGTCA
AATTGAAGCAAATAAACCTGTGAGACAGAAAATTACCGAACCTAAGACGCCTTATCATCCCATGATTGATGAT
GATGATTCTCTCTCTCTGTGCGGGAGAATTTGACTTGTGTGTTGGTGATGCAATGCATGCTGAAGCCATTCTG
AACTGCATTGAACGATGTGGCTTCTCAAGTGGTAAAAGCAGCCAGCGATCCAGTGTTGGACATCTTCTGAG
GATGAATCAGATGCCATGGACCAAGATGAAGAAGATAAGGGAAATTTGAGCTTTAAGGAACACAGAAGAGC
ACACTATGACGAATTTAGGAAAATTAGAGAACTGCGGAGGAATGGGTCACTTTTAGTGGACGAAGATGATGA
AGACGATGTTGAGATGGATATGATGGGGAAAGGTGTGAGGGATATTGATATTTGAAGAAGAATAAAGG
TCATTTATCACAATCATCGCCACCAACCAATGGAGTTGGAGGTTGATCTCAGCTATAAGCAAAAAGGAAAAAA
CATCCCACTGAGTGAAAAAGACCCCATTTGATAAGAAATTGTTTGGGTGCTAAATTTGCAATGTCTTTTATTAT
TTTTATATATATATATTTTACTTTGTGTACTCTGTACTTGTAATAACTTCATTTCTTTGTCCCTCTCAAATGTGG
CCAGAGTATGATACACCTGACTTCCTTTTTTCCCCCTCTGGCTTAATTAGCCATTTCTTTGAACTTGATGC

>trans_s_12302EF467641|Epilobium amurense chloroplast small heat shock protein gene, complete
cds; nuclear gene for chloroplast product

TTTACATCAGGTTCTTTGAAACTGAAAGCAGCAAAAATAACTACACCTACTCTCAAATCTAATCCCAACTCTT
CACTGGACATTAATGTCCACAATTTTACTTGTAGCCATAGCCTTTGGTATTGTTATGTACAAAACCCCATCCTTT
ACCTCTGCCTTAATCTGCTCAAATTGAACATTCTCAGGCAAAGCAATTCTGCTACTATATTTCCATAGCTTTTA
GCAGACCAATCTCCTTCTTCTTCAACCTTTCCATTTCTTACCAGCCTTCTTACCTTCTCAGCCTTCACAAC
CAACATCTTCTCCTCCACCCACACCTTCACATCGTCCTTCGTCATACCCGGCATGTCAAACCTCATCTTATACTCA
TTTTCCCTTCTTCTGATCTCCCATGGAGTTCTTCCCTACTGTACCCAGCTCCTTCGCTGGTAAATGGAGGCGAT
GGCCATGCTCCCGAGTAAGCAAAAGGATCATCCATTATCCTCTCCATTGTCTCCATCATTTGCTGTACCGTTCTC
GCCGTGCGAAATCGATCCCAAAGCCCAATTGGAGCAACAGGAGCTACTCGTTTCTTCGGTGGCTGAGTTGTTT
GTTTTCTTTTCCAATAGTTCTCTGTAAGTGATCGAGATTATCTCTGCCATCCCCTGCCACGGCTTTGACGTTAC
TTCTACGAACAACTTCTTGGGATCATTGGAGGCGGCTTTGGTAGGGGTAAAGGAGACGAATCGAGTAAGAT
TTGATACTGCTTGAGCCATTCAAACGGAACCTTTGTAAGCGGAAGTTTGAAGTGAGTTGTAGGCAGTAGTAGG
AATGAGGATCGTGTTAAGGAAGTTTTAGGTGATGAGAAAATCGACATTGTTGGAGTTATAAAGGATGGAGA
AGGAGGGTCTGGAGATGGAAGGAAGTGAACCTCCTTTCTGTTCTAGATCTCTCCAGAAATTTTAGCCATCCAA
CACAATTATCCTCTCTTCTATTTCTAATAATTCTACTTCGTAAATTCAAATATATCAACTA

>trans_s_12303NM_104525|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family protein (AT1G56500) mRNA, complete cds

ACCTTGAAGTATCTTTCCCTTCTCCTCCGCTTTTGTCTTCAGCCAGATTATGCTTCTTTTCAAGTAAGCCAAAAG
GAACAAAACCCACACCAGTTTCTTACTATCTTCTTCAATGGAGATCGCAACGCTTTGTGGTTCCGCGGAAAATG
GCGGTTAAAGCATGCGTGAAGGTGGAGGAGAGCAGTCCTAAGGAAAGCGCTTATAAGAGCGAGTGCGGTA
AGGTTTCGGCAGTGTTGTTTGACATGGATGGAGTGCTTTGTAATAGCGAGGACTTATCTCGAAGGGCTGCGG
TTGATGTTTTCAGGGAGTTGGGTGTTGAAGTCACTCCTGAAGACTTTGTGCCATTCATGGGGACTGGTGAAGC
AACTTTTTAGGAGGAGTTGCATCAGTGAAAGGGGTAGCAGGATTTAGTCCTGAGGCAGCAAAAAAGAGGTT
TTTTGAGATATATCTAAAGAAGTATGCAAAGCCCAATTCTGGAATAGGCTTCCCCGGTGCAGTGGAACTCATT
CTGAGTGTAAGCAAGGGCCTTAAAGTTGCTGTTGCATCCAGTGCTGATCGTATCAAGGTTGATGCCAATTT
AGCTGCTGCCGGGTACCACCGTCGATGTTTGATGCCATAGTATCAGCTGATGCTTTTGAGAATCTGAAACCT
GCACCTGATATATTCATAGCTGCATCAAAGTTGTTGAATGTCCATCTGACGAGGTACAAAGATCAGCCACCT
CTTCTTTTTTTTCCACTCTCCATCTCTCTTCTTCCAGAGCTGCCAATGTGTAAAGCCATTCAGTTTCATTTTAT
TCTTCTTTTGGCATTAAAGACCTGCTGTACATTGCTTGTAGAATGCTCCTAGGCGTGACGAGTTTCCATTGTAT
AACTATGTTTTGTTCTTTGATTTGTATATCAATGTAAAACTAAACCATATGCCTACCTTTAAAAGTTTACTTTTC
CAGGTGGTTTCTGCAGAACATCCTAATAAAGTGGTCTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12304NM_113263|Arabidopsis thaliana dienelactone hydrolase family protein (AT3G23600) mRNA, complete cds

AGGGCTGAGGCAAATTCGATTTTGGGTGATTGAGGAAGTTCAAATCCAAACGCCATTTCCATCTTTTAAAGCAT
TTTTCTACTTGCTTCCACTGAAATCAGTCAGAGTAAACGAAGGATCCTCATCGAATACAAAATGTCAGGTCC
TCAATGCTGTTCAAACCCACCAACTCTAAACCCCAGCAGCGGCGCGGCCATATCGAACAACCTCGGCGGCCTT
ACCACCTACGTCTCCGGCTCCCCTGACTCCAAATCGCGGTCTTTTTATTACCGATGTCTACGGATTTGAAGCT
CCACTTTTAAAGGAAGCTAGCAGATAAGGTTGCAGCTGCTGGGTCTTTGTGGTTGCTCCCGATTTCTTCCATGG
AGATCCATTTGTCCAGATGATGCTAATAGGCCCATCCGGGTTTGGCTACAAGATCATGGACCTGACAAGGGT
TTTGATGATGCGAAGCCTGTGGTTGAAGCTCTGAAAAACAAGGGTATCTCAGCGATTGGAGCCGTAGGCATTT
GCTGGGGTGCCAAGGTTGTCGTTGAACTTGCAAAAGTGGAGTTGATTCAAGCTGCTGTGTTGCTACATCCTTC
GTTTGTCACTGTGATGACATCAAAGGGGTCAAAGCTCACATTTCAATACTAGGAGCGGAGATTGATCATATG
TCTCCTCCAGAACTTTGAAACAATTTGAAGAAATCTTGTCTGCAAAGCCTGAGGTGACGGGTTCTGTAAAGA
TCTTCCAAAGGTTTCTCATGGGTGGACTGTGAGGTACAATGTGGAAGATGAAGAGGCTGTCAAATGTGCAG
ATGAAGCTCATGAGGACTTGTTGGCTTGGTTTACTAAGTATGTTAAGTAATTGGATTGGCCATTGTCAATCCTT
CTTGTTAGTATCTTTGTGTTGTAAGCCATTTTACTGTTAAGCTCAGAATAAGAAGTTTGGAATGCAGCTGCA
GCTGCTTTCTAATATCTCAGTAAAAACAAGGAAACAGTCATAATATTAGCAGATTTGATGATGATCATGC

>trans_s_12305Z97336|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 1

ATGAGCAGACGTATAGACGAAAGGATTTATATTTGTAGTACACGTCATTGATCATATCGGAGAAAGGCATCG
GAGCAGCTTTCTTTTTTCCAAATCCATATTTTCTTTTTGTTTTGTATAAAAATGGCAAACCCATCTCCCCTTT
ACTTTTATCCGCTCCTCCGATGCACAAACATCCCAGCATTTCTTCTTCTAATGCCCGCCCAATTTCAATTTCTTTA
CTTCTTCCCAATTCTCCTCGCCGTCCTACTCAGATCTAGGAAATGTTTTATGAAGTGGAAGTACTGAGAGATGT
GGAAATCACAGTGGAAGGAAAAGAGAGATGCTCACAACCTCCAGAGGTACATTATAACATGCTTATTAGA
AACTTACTGAAGGAGAAGGCCAACAAAGACCATGGCTATTTTCTTCTGTTACTAGCTGAAGAGCATAGGC
AAGGGAGTTGTTAAGAATGAGTCTCAATGTGTTTCATTCCCCATTACCTTTATTTGCCGAACCTTTTTGCCTTTT
GAGGGGGAGATCTTACATGGAGTTGTCGTACATATTTAGCGTGGATTACTCTTAAATGTGGACCGATCA
AGTACGCATTTCTTTCAGCTCGTAAAATGCCAACCTACCAGTATGTTGGTGGTGAAAATCCTGTATTCTCAAGC

AAAGAATTTGCTACGATTGGAAACGATGTTGTTGTACGGTTCAGTGTGCTTGGTGTGAGATGGATAGAGAAA
AGAGGATGTATAAAAAAAGAGTTTGTGATGCTTGCTAGCTTAGAAGGTAACAACCTCACTTGGACCTATTTTCAT
TGTCGGACTCCGATGAGTTTGACCTGCAAATTTAGAACACAAACCACAACTTGGAATGTTTCACTGTTATAT
ATTCTCTTACAAGCCTTGTTTTTCTTCCTTCCCTTTTATATCCGTTTCGATGTTCAAAGTCCATGATAATTCAAG
ATTCCTGTGGAATGTTAATTTGAATGTCTTGCATTTAAGACATTTGAGGTCTGGATGTTTAAATC

>trans_s_12306AY103857|Zea mays PCO135707 mRNA sequence

TCTTTATATCGTGGTTGCTAATCCAAATTCGGAGGGAAACGGGAGACGAGGGAGTGCGGGAGTTGATTTCAGA
CGGAGACAGCGCCCCCGCTTTGTCTTTTCTTCTTCTTCTTGTCCATTACTTTGGTGTGCGGTGTGGCCTC
TCAGATCAAAAAATTTGAGGCAAGACTTTCCTTTTGACCGCATCATTTCAATGGAGTTAAACGGCAAATCCATG
GTCTCAGAGCCTGCAAATGTTATTTATCTTTCAACTATTCTGGGTAGAGATGGGCAAGTTCTTTCCACAAATG
TGATTGGAAATGTGAGAATGAACATGTGTGTGGTAATATGTACCGCTGCAAATTTACAGGAATGACTCACATT
TGTGACAAAACTGTGACCAACGAATTCTGTATGATAACCATAGCTCACTTTGCCGTGCAAGTGGGCAAATAT
TCCCCCTTTCCTGACAGAGGAACATGCAATCAGAGGCATTGCGAGGAAGTTTGATGCTGACAATTCCTCCGTT
GATGACTTTGCTTTTAAGCGTAGGCGGGATGCCAGTTTCATCCTTCACCTTTGAGAGATCTTTCTCTGCTGCC
GTCCCAATTTGCAGTCAAGTTGGAGATGGCATGGATATGAGCTAGATTTACATATGAAAAAGGAGGGGAAAA
CTGGGGCTTATCTCTATGCTGTTCTTTGAATAATTTCTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTTGCC
TACGGACTGATATCATATAATGGACTTAACCTGCGGGTACTTGAAGTGATGAACCTTTGTATGTCCACCTGTT
TGTAGGAACGCTTATATTTCTAATCTTGTTAATGCCAATATGTAGCTGACACTAGATTGACTATAACAGCTGG
GATGGAGCAGGATGATCATGAACTTTACATTTATAATTAGAATTTACGTACCCTGTATCATCTCAACATTTACTA
TTGTAGCTCTAAAGGCTTCCTTAGTATCATTTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12307DQ447159|Nicotiana tabacum NAK-type protein kinase mRNA, complete cds

TGTTGGTCTATGAATTCATGTCTAATGGAAGCTTAGAAGATCATCTCTTTAGCAGGAGTAGGACTCTTTTGACT
TGGAAAACTAGGCTACAGATTATCCTTGGTGCAGCTCAAGGATTAGCTTATTTACATGAAGGATTAGAAGTCC
AGGTGATTTATCGCGACTTCAAATCATCAAATGTACTATTGGATGAAGAATTCTCTCTAAACTTTTCGGATTTTG
GGCTTGCTAGAGAAGGACCAACTGGTGATCACACACATGTGTCCACTGCAGTGGTTGGGACATATGGATATG
CAGCACCTGAGTATGTCGTCACAGGACATCTAACAATGCAAAGTGACATATGGAGTTTTGGAGTAGTGTTGTA
TGAGATCCTAACAGGCAGGCGAACTCTTGAAAGAAACCGCCCAACTGGAGAGCAAAGCTACTGGAGTGGGT
GAAACAATTTCTATAAATAGTAAAAGTTTCAAGACGATAATAGATCCTCGGCTTCAAAATCAGTATAACCTGG
CAGCAGCTCGAAAAATTGCCAATTTAGCCAGTCAATGTCTCAACAAGACTGCAAAGATCGACCAACAATGTC
GAAGGTCGTTGAAATCCTGAAGCAAGCACTAGAAGAGTCAGAGAAGAATGTTCAAGTTATGAGGATTGCTGTG
GTGTTAACTGAAAAAAAAGCTGAAATGGTTGATGATGCTGAACTTGTCTATCTAAAGTCTCAACAACAACAGT
CACAGAATAATGAAACAAATTGGTACTTGCTATCACTTTTTGTATGGAAAAGCTTAGGGTAGGTGCCTAAGC
CTTCTCTCTTTTGTGCCTGCCAATTATATTACTCTTGAAGTATTGTTCAACCATCTGAACAATTACCTTTTGGT
CTTAGCTCTTCATTCATCATCTTAAAGATAGACGAGTACTAAGGGATAGGGGGAAGTAGAAAGATTAGCTGAT
TGATTGATTGATTTATTGCTGTTTTAAGATGCAGAGTTTATGCCGTACATAATATAAAGTTTAAGTTTGT

>trans_s_12308NM_202830|Arabidopsis thaliana metal ion binding (AT4G16380) mRNA, complete cds

TATGGTGTGAAAGTTGACCTCGAATGCCATCGCTGCTACAAGAAAGTTAAGAAAGTTCTTGCCAAATCCCTC
AAATTCGGGACCAGGTTTATAATGAGAAACAGGGGTTCTGTGATGATCAAAGTTGTGTGCTGTACTCCTGAAAA
AATCATGAAGAAAATTTGTTCTAAAGGCGATGGATCCATTAAGCATCGAAATCAAAGAACCCGAGAAAAA
GAAAGAAGAGAAAAAAGAAGAAAAGAAAGAGGAGAAGAAAGAAGAGAAGAAAGAAGAGAAGAAAGAAAG

AAGAGAAGAAGAAAGAAGAGAAGAAAGAAGAGAAGAAGAAAGAAGAGAAGAAAGAAGAGAAGAAAG
GAAGAGAAGAAAAAGGAAGAGAAAAAGGAAGAAAAAGGAAGAGAAGAAGGAAGAGAAGAAGAAGGA
AGAGAAGAAAGAACCGGAGAAACCAAAAGTGCGCGGTGCAACCGTTCAAGGCTATCCACCGCCGCCATACTC
TGTTACGCGCGGTTCATTTTACGAGGGTCAGCCTTGTTACCAATACCACGGCTATGGAATACCGGCGGCGGCG
CCACCACCCTACTACGTGGGTAGGCCGATTTACGACAGCTATGGTGGTGGTTACGGCGGTGGATACGGCGGC
GGAAGGGGATATTATGCGGGGCCTTCATCTGATTATTACAACCCAGAAAATCCAAACACATGTTCTGTAATGT
GAATCAAATCCGATATAAGATGAGACCCATGTTGTAATTGTGATCCTCACGGTAAATCATGAACAATGTTGA
AAATCTGTGTCATTTCTGTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGTGTTGAAAATTAGAAGCGTTTCTTTAAGAA
AAAATAAAAAACAGGGGAGAAATGAAATAGAATGAAAGGGTACTTTTGTGTTGTTGATTACGTGTATAAATTA
TAAAGTTTGTCTTTTATAGATTCTCTCAACCAACAAATTATCAATCCTTTTATAACATTTGTATACAAAAA
TATGGTTCACTAA

>trans_s_12309NM_119551|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C family protein / PP2C
family protein (AT4G33920) mRNA, complete cds

TCTCAAACATTTTCATGCCATTAACCTAAATTTCAACAATCCCCATCTCATATTCAAACATACCCATCAAGTCCC
ATATCTTCATTTCTCACTTTCTTCATTTTCTGATCATATTTCACTCTTTGATTGTGATTTTAATTGAAACCCATGA
TGTTGAGGTCGTGTTTCCGGCCGCTCGAGCGGTTTCTTGCCGGTGAGCGGTGATGGATTGCTCTGGCACTC
GGAATTGAAGCCTCATGCCTCTGGTGATTACTCGATCGCTGTTGTTGAGGCTAATTCTTGTCTTGAGGATCAGA
GTCAGGTTTTACGTCTCCTTCTGCTACTTATGTTGGTGTTTACGATGGTCATGGCGGGCCTGAGGCTTCTCGT
TTTGTGAATAAGCATCTTTTCTTATATGCATAAGTTTGCTCAGAACAAGGTGGACTATCGGAGGATGTTAT
TAAGAAGGCGTTCAATGCTACAGAAGAGGAGTTTTGCGTTTGTTAAACGGGCATTGCCTGCAAAGCCGCA
GATTGCTTCAGTCGGATCATGCTGTCTGTAGGTGCAATTTCAAATACAAAGTTGTACGTTGCAAATCTAGGTG
ATTCGAGAGCCGTGCTTGGCCGTAGAGGTTTCGGGCAATAAGATAACACCGGTAGTTGCAGAACGATTGTCTA
CTGATCACAACGTTGGCGTTGATGAAGTTAGGAAAGAAGTTATAGCACTTCATCCCAGTATTCTCATATAGTT
GTCTATACCCGTGGAGTATGGGGAATAAAAGGCATAATTCAGGTTTCAAGATCTATTGGCGACGTTTATTTAA
AGAAACCTGAGTTCAACCGGATCCAATATTCACAATTTGGGAACCCGTTCTTTAAACGACCTGTAATG
ACTGCAGAACCATCAATCCTAACACGAGAGCTTAAACCCCAAGACTTATTCCTCATCTTTCATCAGATGGCCT
ATGGGAACAATAACCGATGAAGCAGCAGTGGAATAGTTTTCAAGAACCCTAGAGCTCATTCA

>trans_s_12310NM_001050917|Oryza sativa Japonica Group Os01g0771100 (Os01g0771100)
mRNA, complete cds

ACGACAAAATCGGAGAAAAATGTTGAACAACTGATGGCCGCCACTGCGGTGGCTCTCCGGAGTGGCAGCCG
GCCGTCTCTCATGGTCACTTGCCGCCATTGACCTCCGCATCCTCCGCCGTCAACTCGTTTCTCCTCCGCTCCCT
CAAAGAACACTATCTCGAGATCACCAGAATGCCGGCTCTCCAAAAGTGAGCCCTCCTTCTCCTTTTCTATCAT
CACAGGCGCATTAGACGGCCATGGACCGGTGCTTACTAAGAACTACGGTAAAGAAGAGGTTAACATTTCCGT
TATGCGATTGTCTAATATTGTTGCGGGAGGTGGTGGAGACAACGATGACGATGACATTAACCAGTTGTTTCTT
CATGTGAGTGTATCGAAGCCGGAGCAGAAGGATACTTTGCATTTTCTTGTGGGTTGTATCCTGATGCGTTAG
GTATTCATTCCGTTTCGATGAGACCGAAAGGCGAATCTTCGGGGTCGGGGTTTCTCCTGTTCCGTCCAGCTAT
AATGGTCTACATTCGAAGATCTGGATGAGAAAATGCGAGATATGTTTCACAATTATATAGAAGAGCGAGGT
GTGAATGAGTCTCTTTTCATTTCTTCAAGCATGGCTTTATGTGAAAGAACATCGAAATCTTTTGCATGGTTT
AGATCAGTTGGCACATTCATCTATGAGCCCAAGAATGGTAAAAAGGATTGATAGTTAAAGCATTGGATAGAA
AAACTGTTGGTCTGGATGCTTTGATTCGTGGAATTCAGGGTTCATCTTCAAATTTGGTTAAGGTGTATAAGG
TAAATGGTCCATTTGCTTCCATTATACAATTTTGAAGCCCTTATCTCTTGTATAAGCCATGGTTTTGTTTT

TCAAATGTGATTGCGATTAAACGTTGAATTCGAGCACTCAACGTTGCAATGATCTTTGTTTGAACTATATTTCTCT
TATAACCATGGGTTATATGCGCGGCTTGCCGAGCATATTAGACTAACTCACAGCATCCATGTCAAAT

>trans_s_12311NM_001070153|Oryza sativa Japonica Group Os09g0507800 (Os09g0507800)
mRNA, complete cds

CTTTCACAAGCTCGCGCAAAAATGGCACCAAAGAAGGCTGTTGGGAAAGCCTTGGCAAAAAGAAGCCCGAG
AAGGTGGTGAATCCACTATTTGAGAAGCGTCCAAAGCAATTTGGAATTGGCGGGGCCATTCCACCAAAGAGG
GATTTGACAAGGTTTGTTAAATGGCCAAAAGTTGTTCAAATTCAGAGAAAGAAGCGGATTCTTAAACAGAGGT
TGAAGGTTCCACCAGCTTTAAATCAGTTCACCAAGACCCTTGACAAAAATCTTGCTACAAACCTGTTCAAGATG
CTTTTGAAGTATAGGCCGGAGGACAGATCACAGAAAAGGGAGCGTCTTCTAAAAAGAGCTCAGGAAGAGGC
TGATGGCAAGCCACATGATGCTAAAAAGCCTATTGTTGTGAAATATGGTCTCAACCACGTGACCTACCTTATTG
AGCAGAACAAGGCTCAGCTGGTTGTCATTGCACATGATGTGGACCCGATTGAATTGGTTGTTTGGCTCCCAGC
TCTTTCAGGAAGATGGAAATCCATACTGCATTGTGAAGGGAAAAGCACGATTGGGATCGATTGTCCATAA
AAAGACTGCATCTGTTTTGTGCTTGACGACTGTGAAAAATGAAGACAAGATGGAGTTCAGCAGGATTCTTGAA
GCCATCAAGGCCAATTTCAACGACAAGTACGAAGAGTATAGAAAGAAATGGGGAGGAGGAATCATGGGCTC
CAAGTCCCAGGCTAAAACAAAAGCGAAGGAAAAGCTGCTCGCCAAAAGAAGCAGCTCAAAGAATGTCTTAGG
GATCATAGTTGTTCTCTTATAATTTGCGGATTTTGCTTTAATGGAAAAAAAACCTCCATGGAGACTTGGGTAT
TATTTTCAACCTCAGAATTTAAAAAGTTTGTTACTTTATGGTTGTTTTGCTTATTGGCTGATTCAGATCTAGAT
TTGATGTTTCGCACTCTCTACTTTGTTCTTTATGTTATAGTGTAATTTTGTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_12312NM_001071197|Oryza sativa Japonica Group Os10g0430800 (Os10g0430800)
mRNA, complete cds

GGCTTGCTCCGTTTAGTCCCGGTGTTTGGTGATCAGAGCTCCGACATGGGTGAAATTTACATGAGCTCGAAT
ATGTTCTCAGGTCCAAACCGAACGGTTTGACGATCGAGGAAGCGATTTTGCTCCAAACATGTAGGTCTAAGGC
TGTTTCGAGATTTACATTTGGTGGTATCCTTGAGGTTGGCCTGACATGGGCAGGAACATGGAGGCTGAATAA
ATTTACTCGGCTAAATCTTCCGGAGGAGCTGCTGCGCTTTGTGGATTTTGAGATTTAGCAGGTCCCTAACT
CATGTGTCGATTATATTCTTTCCTGATGGAAGTAGGATGCAAAAGGAATTGGCAAATATTGTTGTGACGAG
ATATACAATGATCCTCGTGCAATGCAGTACATATCCAAGCATTTTTTTTATGAGGAAGTGTGACGATTCAA
CCTCGGACCGGCCAAAATAAGGTGGCGTTATCGAAATTTCTTAGTGATGATGTTGCTCATTCTCAGAGGAC
GCATGGTAATGACAACAACGTGCATGAAAACCTCCAACGTGATTCCAGTGCCACCAGCGCGATTCTATGGT
GACTCCGATGACAAAGGAAATGCTCATGATTCAAGCCAGTCTCACTAAGACTGGCACCGATTCTGCGACGG
CAGACCCTCTAGATTGTATTTTGGTACATTGGCCAGAGAAGAAGAAATTCAACTCGACTCCCTCTACTCCA
TCTCCGAAGCCTCACTCTCGTAGCAGAAGATACAATCGTCGGCATCGAAAAGATAACCAGACAAAACCAACAA
ACTTTGAATATGTGTAATTTAGGTTCTATCCATTCCAAGAAGATTTCAATTTCTGTTTTTAAAGAAACGAAAC
ATTCCATTCTAGAAATAAAGAGAGACATCTTTGTACCTAACCATGCTATTGAAGAAGGAATGTTAAGACATTT
ATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12313AF428289|Arabidopsis thaliana AT5g57340/MJB24_15 mRNA, complete cds

AATACCATCTTTTAAAGTACAAAATACACCATATATTTATACCATACTTTACACAATTCCTCCTGATCTCTCTC
TCTTCCAAACCAGCTTTCTCAACAGCCTGTCAACCCCTGAATTATTAACACCAAAGATTTCTATTTTTTTTAGTC
ACAAACAGAGAAGCTGTGTTTTGCTTTGCTTTTATTGTTTCTTCTCAAATAAACCAACAAAGACTACTTCTT
GGTTTTATTGTAATTCATTATTTCATGAGGGAATTGAGAATTGGGAATTGGTATGAAGAAGGTTGAAGA
TGTTCAATGACTCTCGTAACAATTTACAATCAACAAATTTGCCACTTCTTCTTCTATATCAGGTATGGGAAC

AAGACTTGAACCCACTTTCAATCCTCTAGCCACATCTGCCCATATCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAACAACAAC
AACACATTATTCACAATTCAAAGACTGAATGCTTGGCAACACCATTTCOAAGACTCAACAACAGCAACGAGATT
TCCCCTTAAATTGATCTATAATAATAACATCTTCTCCCATGACATCTACTGGTTCGCTTGACAAGTTTCAAGA
AGCAATTAACAAGATGTTGCAAAAAGGAGATGTGGACGCCATTTCGAAAGACAATGCAGGACCATGAAGATGC
TTTCAAGAATCAAGTAAAGGAACCTCATAGGCTATACAGCGTTCAAAAAGATGCTAATGGAAGAACTGAGGAA
AGAAAGCAAACAAAATGCATTATGGTGTCCAAAGGCAACGAACCATTTCGAATTTAACAACAGGGAAAATCA
AAATCAAACAGCACAAACAACCTGGAGGAGGCTTAATTTTCAATCTTCAAAGCTTGAGATCAGATGATCCAAGC
AGTAGGGAGAGAAGTGGGAGCTGTTGAGGAGACAATATGAGAATAATATCAAGAGGGTTTGATCTTGAAAA
GCCAGCAGCAGAAGAAGACATGTGACCGGCATTAGCACGGTTGACGAAGACCAGGCTGGACCAAGTA

>trans_s_12314AF004812|Mangifera indica beta-D-galactosidase (SP26) mRNA, partial cds

TGGATTTTACTGTTAGAACTTTGAACCAAACAAGGCTTATAAACCCAAAATGTGGACAGAAGCTTGGACTGGT
TGGTTCACTGAGTTTGGAGGCCAGTTCCTTATAGACCAGTTGAAGATTTAGCTTATGCTGTTGCAAGATTTCAT
TCAGAATCGTGGTCTCTCATTAAATTATTATATGTACCATGGAGGAACTAATTTGGCCGAAGTCCGGTGGAC
CTTTCATTGCCACAAGCTACGATTATGATGCTCCGATCGATGAATATGGCCTAATAAGACAGCCAAAATGGGG
TCATCTGAGAGATTTGCACAAAGCCATCAAGCTATGTGAACCTGCTTTAGTATCGGTAGATCCTACGGTGTCTAT
CGTTAGGAAGCAAGCAAGAGGCTCATGTCTTCGACACAAGATCAGGGCAGTGTGCTGCTTTTCTAGCAAACCT
TGATCCATCAACTTCTGTAAGAGTCACCTTTGGAAATCATCCATATGACCTGCCACCTTGGTCCGTCAGCATCCT
TCCTGACTGCAAACTGTCGTTTTCAACTGCAAAAGTCAATGCTCCATCCTATTGGCCTAAGATGACGCCAA
TTAGTTCATTTTCATGGCATTACATAATGAAGAACTGCTTCTGCGTATGCTGATGATACAACCACCATGGCT
GGGTAGTAGAGCAAATAAGTGTACCAGGGATGGGACAGATTATTTGTGGTATATGACAGAGTAAGAAATC
CTCCATCCATCACAGTTTTGCTCTTTGTTGAACATTTTATTGAAAAATATTTGTAATAAATCGACTATATCTTACT
CTACCTCATGTTTATCTTGCTCAGTATAAGGATCGACTCGAATGAAGGCTTCTTAAAAAGTGGACAATGGCCTC
TTCTCACCATCTTTTCAGCAGGGCATGCTTTGCATGTGTTCAATAATGGCCAACTATCTGGAAGTGTATATGGG
GGGTTGGATAATCCCAAATTAACCTTCAGCAAATATGTTAACTTAAGGCCAGGAGTTAACAAGCT

>trans_s_12315XM_002310708|Populus trichocarpa cc-nbs-lrr resistance protein, mRNA

CGACGAACTATCCTCTCGAAGTTTAGTTAATTATGTCACGACGAGAAAATATGGATATGATGATGACTTCTATG
AAGAGTACTCTTTTACTCAGCATGATATTCTTAGAGATTTGGCTATCCACTTGATGAATATGGAGCCCATAGAA
CAAAGGAAAAGACTGATCTTAGACATTAATGAAAACGATCCTCCCAAATGGTGGGTTGATCAAGAAAAGCAT
CCTTCTATGCCAACCTTATATCTATAACCACAGATGAGAGATTCTCAGCAAGTTGGCCTGACATGGAAGCACC
TGAAGTGGAGGTTCTGATTCTTAATCTTCAGTCAAGAACTTACAACCTGCCTGGGTTTCATCAAAAGAATGAATA
AGCTGAAAGTTTTGGTAATCACATATTTTGGTCTTTTCTAACTGAGGTGACAAGTGAAGATAATCAACTACTC
GACTGCCTAACGAGTCTTGAACGAATTAGGTTTCGAGCGTTTTTCAGTTTCTATCTTTAGTAATCCAAACCCGAA
ACCGCTGATAAATTTGCAGAAAATATCCTTCTTTATGTGCAAATTTGGTCAAACATTCATGGACGTTTCAACCCC
AATCTCAGATTTGTTGCCAACTTGCTGGAGATTTCCGTAGACTTTTACAACAATTTGAGTGCAGTCCCCAATA
GGTTGTGTGAAATTGTCAGCTTGAGAAGCTGAGCATTACAAATTGCCATGGACTATCTTCTTGCCAGAAGA
TGTAGGAAAGTTGATTAATCTAAAAAATCTAAGGCTAAGATCTTGCAATTCATTTAGAAGAGTTTCCCGAGTCG
ACAACGAAGCTTCGGGAATTAGTCCTGCTTGATATATCTAACTGTCTTGGTCTTGCCAAGCTTCTGAGAAGAT
TGGTGAATTGCATAATTTAGAAAAGCTTGACATGAGGCACTGCTCAAGTTTGCAGCAAGCTGCCATTGTGATT
GGAAACCTGAAAAAGGTGAAGTTTTTATGTGATAGAGAGGTTGGAGAGTGGNTGAAAGAAGGTTGCG

>trans_s_12316XM_002889886|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cornichon family protein, mRNA

AAGCAGTTTAGAACTTCAAAGCTCTTCTCTCCAGAAGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAGGA
AAAAAGAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAGGTGGTGTGCGAGAGCCTGCCGTGCGCTTGAGAAAATTTAAT
CATCCCGATGCGATCGGTGCTTTGCAAACAGGAATTTGTCTCCGGCGCCGTTCAATTCTGCATATTTCTTATAAA
CTCCTTCACCACCTCCTTCAATCCATTTCCCCTGTCGCCGCGCGTGTATTTCTGATGGCCATATCGTGGCATTG
AGGTTGATTTCAAATCAAACACACAGGGAGCAAGTGGAGACACAGACACACAAGTTTAGGGCATTACTATGG
CTGATATCTACGTCTGGCTCCTCTCCTTCTTTTTATCATTGCGCTTCTCATGCTTGTGTTTTTCAGCTAATGTG
CTTAGCTGATCTTGAGTTTGATTATATCAACCCTTATGACTCCTCATCACGGATAAACAAAGTGGTCTGTCCTG
AGTTCATTACCCAAGGAGTCTTGTGCATCTTCTATCTTGTGAGGGCATTGGGTTATGTCATTATTGTGTATGC
CCTGCCTTTATTATAATTTAAAAATGTACACTCAGCGAAATCACCTGGTAGATGTTACTGAGATATTTAATCAGT
TACCTTGGGAAAAGAAGCAAAGGCTTTTCAAACCTGTCTATCTTGTCTCTTCTCTTCTTTCCATATTTTGGTT
AATTTACAGCGCGTTGGAGGATCATGAGTCTTGAATAGATTCTGCAAAGTGCAAATTGTTGTCTGTAGGAGA
TAATGCCACTGTGCGGCTCACTACAAAGTTTTGTGTAACGTATCTTAGGGTATCTTCTTGTGTCGTAATTTT
TGACAAATAATTGCTTTGGGAATAAGGTCTAAAGGTTTTGATTGCCACCAAATGCTGCCCTGTTTTGCAGTGC
TGTGTATAAACGAAAATTTAAAACTATAAAGATGAGATTCTTGTTATGTTTAGAGAA

>trans_s_12317NM_122276|Arabidopsis thaliana DNA binding / DNA-directed RNA polymerase
(AT5G23710) mRNA, complete cds

AGTTTTGATCCCCTCCAAACCTAATTCTTTTGAAGACCTCCGCTTCTTCTTTTTCTACGATCTTCTCCCTTA
TCCTCATTTATTCTTACCCGGCGACGGCAACGGGTCCTTCCCACCAGCCGGATTCTGACGATTGAACGGAATGA
GTAAATCACAAGGGCCATCATCCCTCAAGAGAAAAAGGCCAGATTTGGGTACGAAAAATTCCTCTGGAGGAG
CTCTAATTGGGCAAGAAAAAGTTCTTTATGACCTAATTTGCAGCAAGCAAAGCATGGGGATTGCACTTTTGAT
ATGAAAAGAGAGACAAAGTTTGCTGAAAGTGTAGTAACAAAATCCCTCAAGTCTCTTCAAACCAAGGGCCTGA
TAAAGATAGTCCAACACTATCAAAACAAAGGCAAGAAATTTACCTATCAAACGACTTCGAACCCGGCTAAGGA
ATTAACCGGCGGTAAGTGGTATCGTGATGGGGAGCTTGACAAAGACTACATCAATACTCTCAAACAAGTTTGT
GCAAGAATGATACAAAGGAAGAAGTTGATGACCATTGAAGGAATTGTGGAGTCTTCAAACAGAGTGGGGCT
TTCAAAGTAGAGTTGTCAAGAGAGCAAATTGAAGAGATTGTAAATGCTTTGGTGTGGACAATCAAGTGATG
GAAGTGAAGAGCTCTGGATTTGGTGAATTTGAATTCATTCCAATTGGGAAGATTTGTTATAAGTATTGTACTCA
AGGAGGAGGCCTCAAAGGGGAGCCTAAAATAGGAGCAATGGCTTCCATTCCATGTGGAGTTTGCCAAGGAT
CACTTATTGTACCCCAAATGGCATCATTTCTCCTGCCACCTGTGTCTATTATACCAAGTGGTTAGATTTTAAAGT
TTAAACATTTTGAAGATATATACATAATGTGCATATGTATTTAACTTCTCCAAGTTGTTGGTGTTTTTTCTCT
ATTAATCTATTAGTCCTTCAAGTTTCAATTTAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12318XM_002882723|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cornichon family protein, mRNA

ATTTTCAACATACTCTACTCGTCTAAAACAGCAAAATTGTGATTGAAATTTGATTCAACTTACAATTTTGGTTG
AAAATTTATAGAACCACTGATTCTTCAATGCACCATTTAGGTTCAAGCATCTAGATTTCATTTCCCAAGAACATT
CAACTCTCGCTCCGTTGGATTAACAAATCAATCTTCCAATTCTGGGGTTTCTGAACTCAACTGACTTGAAGCCT
GCTCAGTTGTTGCAGAAATGGCGTGGAATCTGATCTTTTGGTTCTCTCTTCTGTTTAAACATCGCCCTCCTCG
TCCTCAACTTTTATCAGCTTTTGGTATTAACGGATTTGGAGGCAGACTATTTGAACATCTATGATTCATCATCTC
GCATTAATAAACTTGTCTTCCGGAGTTTTAGTGCAAGGAGTATTTGCTCTCTTTCTCTTACAGGCCATT
GGTTCATGTTTCTTATAACAGTCCCTGTTACCTGCTATCACATAAATTTATTCTTGAAGAGGGAGCACCTTATTG
ATGTCACCGAGGTGTTTAGAGCTCTTAAGCGTGAGAAGTATTTCCGTTTGGCCAAGCTTATCTTCTACTTGCTT
CTTTTCTCATAGTAATTTTCAAGGCTTACTTTGTCTGCATTCAACTCTTTATCTGACGAAGACAATGTCCTACATT
TATTTTGATTGCCATTTTGATATCCGAAGTTTGTATTACGGGTTCTATGGTGGTGGGATTGATATTTATGTGG
GAATTAACGAAGGAATGAATTTGGAAGTCTAGCAACTTCAAGCACATTCAATGGGTTTTCTCAATCCCATTCTT

TAGTTTGGTAGGCTTCAGTAGCAATCTCATTGACTTACACCTAAGGGAATCCTTGTATGTAGAGGATAGCATTG
TAGGCATATTATATGATTTGATTTGTTTTGGTACCTTTCTTAACCTACTGCTAAGTCTGAGGGATCTTCAAGATT
AGGGTTATTTTTATCATTTTTGGAATATCAACTCGTTTCAAGTTTTAGT

>trans_s_12319AF088915|Petunia x hybrida proteasome beta subunit mRNA, complete cds

AGAGACCAAGTTTTGTGCCTTTGCTTTGTGAAGTTCCTCTCTCTCAAGAACGCCTTCTCTTTTTCATCTGCCCTA
TTCGACATGACGAAGCAGCAAGCTAACTGGTCTCCTTACGACAACAATGGCGGATCCTGTGTTGCGATTGCCG
GTGCCGATTACTGTGTAATCGCCGCTGATACTCGGTTGTCTACGGGTTACAACATTCTCACTCGCGATTACTCC
AAAATTTGTAAGCTGGCTGACAAAGCTGTGATGGCCTCTTCTGGTTTTCAAGCTGATGTGAAAGCCTTACAAA
AGGTTTTGTCAGCTAGGCATTTGACCTACCAACATCAGCACAACAAGCAAATGAGCTGCCCTGCGATGGCTCA
ACTGCTCTCAAATACATTGTACTTCAAACGGTTCTTTCCTTATTATGCTTTTAATGTTTTGGGCGGGCTCGATAG
CGAAGGAAAGGGTTGTGTCTTACCTACGATGCTGTTGGTTCATATGAGAGAGTTGGGTACAGTGCCAGGG
TTCGGGTTCCACCCTAATTACCCCTTTTTAGATAACCAACTGAAGTCTCCAAGCCCTCTATTATTGCCTGCACA
GGATTCTTCAACGCCTCTTTCAGAAGCTGAAGCAATTGACTTGGTGAAAACCGTTTTTGCATCTGCTACCGAGA
GGGATATCTACACCGGTGACAACTCGAAATCGTTGTTCTTAATGCCGATGGTCTTCGTCGTGAATACATGGA
TCTCCGAAAAGATTAGTTTGGTGATTGCTCAATTGATTGAATGTTGCAGCATCCTTTGAACTCCCCATCCGCAT
ACCCCTCCCGGAGATTATTGCACCGTGATCGTTATATTACGGATGGTTAAGTTGAAGTTTCTCTCTGTAATAT
GACCTCCGTTTCCAGATTAATAATTTCTGTTGTGAACATGGGATTGTATTAATCTGCACGGCCGTTGGCCAAT
GTTGATCGACCGATCACCTTTTCTTCTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12320XM_002870151|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At4g15950, mRNA

TTTTTTTTTAAAACCCCAAAAACCTCTTTTTGCAAATTTCTTTTCCAATTACAATTTATAATTAGAGAATTGAAA
GCTTGAAACGAAGCGAAGGCTCGTCGTCATTCGGTTGCGCAAGACGAAAGGGAAGATTCTCCATTTTCCGAT
CAACCCAACAGGTTTTTCTTGGAGCTTAATCGAACTAAACCAGAGGAACAAATTTTCAGTAATGTCGGAGAAA
GGCGAAAAGGGTTTTTCAGTGCAAAAAAACCTGCAAAGTCTTCCCTCAAGTCTTCCGCTCTCAAGGATGCTTC
TCTAAAAGGAAAGGATGATAGTTTGTCAAAGCTAAAGAAGGGAAGGAAAGTCCAGTTCGATGCTCAAGGATC
AGTTGATGCGCCAAATACTTTTTCGATGAAATACAGTGGCAAAAAATGGTGACATGGGTAAAGGAGGAAAAAG
TGCAAACACGAAGGCTTCTGTTGCAAAGGAACCCCAATCACTAGAATTAAAGATTGAGCAAGAACTGCCCAA
GAATGTTAAATGCCAATGCCTTATGGACTGTGAAGCTGCACAACCTTTTACAGGGAATCCAAGATCAGATGGTT
TTTCTATCCGCTGATCCAACCATAAAAATTCACGTCATTTGATAGGGGATTGCAATATGCTAAAAGAGCCAA
CCACTATGTAAATGCCGAGTCAGTTAGACCAGTTCTTGAAACCCTCAAGAAATATGGCATAACAGATAGTGAG
ATATGTGTGATTGCTAATGTCTGCCCAGACACTACTGATGAAGTTTTTGCTCTTCTCCATCCTTGAAGAACAAA
AGAAGCAAGCTAAGTGAACCTCTCAACAATGTCTTGAGTGAGCTAGCCAAGGTAAAATCATCCTGAACTGAAG
CCATCGAGTTGCTTGCTGTTGCTGTTGCTCAAGTCCGGGTGCCCGCTCCCTTCTGTGAAAAATTGTTTTATG
GCATTTGAAAATTAGGACCTTATCTTTCAATGGCTTTCAATAGATATAACTTCGGGGGAAGTAAA

>trans_s_12321AY548742|Capsicum annuum CAPI2 (CAPI2) mRNA, complete cds

AAACTTGATCACTCATTCATAATTTTTTAGAGAAAAAAGTGAAGTGTTGGACGAGATCTACTAGAAAGTTTCTG
TTTCCCGTGTGATTCTCATGGCGTAGTTTATAGTTAAAAGTTTTGCCTTTTATTTAACAACACTTTAACAATCTCA
GACCCACAGCTAAATAGCTATGGAACTTTGAAGAAAGCAACTATTTCTTTTGTTCCTCTTCGCCATTTTCAG
CTTCTCAGAATCATCTAGATCCATCCTTCATCAGCCGCATCCTCAGCCTCTTGAATCCTTCAAAATCAACAATAC
CCAGAATGCAAGGAGCTGTTTCGTACACGGTAACAATAAAAACAAGCTGTTTCATCGCCTGCTTATACTCGGGAT
TACATCAGTATTGCATTTAGAGATGCATATGGGAATCAGGTATATGTACCGAGGATTGATGATCCATCTTCAA
GGGCATTTGAGCGCTGCTCTACAGACAGATATGACTTAAAGGGACCATGCACGTACCAAGTATGCTATGTGTA

CCTCTACCGGAGCGGATACGATGGATGGAAAGTGGACAAAGTAACCATCAGTAGCTACTCTTCAAGATCCGTT
ACTTTTAACTACAACCTCGAAGATTCCCAATGATGTTTGGTTTGGTTTAAATTTCTGCTCTGGGCATCAAGCTGTG
GAATCTACTGCAGCAATGTAAAAGACTAAGTTGAAAATTCCAAGCTAAGTAACGCAATGTTATGGGTTGTGTA
ATGGGAACAGTTGCTTAAAGTTGTCTGGGTTAAATAAAGTGATGACATCTTTGTAGTAAACTTAGAAATAATG
GAAATTCCTGATAGATCTAGTGCTTCTCCCTTTCTTTGATGGTTTTAGCTATTGATGTTATTAATGTCAAAAT
CCTTGTATATTTTACAGGGATGATTAAGTAGAGCTTTAAAAGTAAAGGATTGTACAAAATGTAGGAATGAAAA
TAGAGAACATGATGAACAATGTCTCTTTGCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12322GQ150954|Oryza sativa Indica Group cultivar Zhenshan 97B soluble starch synthase
I (SSI) gene, complete cds

AACATTTTATATTTGAAAAAGTATTTTCTATTTTAATTATGCTACAGGGAGGGTTTCAATCCTTGTAATTAATAT
ACCCCATACCCATTTGTTTAATTCATCTTTTACAGGTCATAGATCCAACCTCATTTTTAAATCAACAATCATGAT
GAAACATTCACCTTACATCTACCATAATTTGATTATTGTTTGTGTTTTCTTTCCCGCTACTCTATACAATAT
AATAATATATTAACAGTTTGTAACCAATGATGCAACATAAAGATTTTAAATCCATGATCTATGATTGTTGTT
TACACTCTATATATTGTTTATATTCAAAACCTCTCTTTATAGTTATTTAAAAAACGTTAATTTATGAATTTAAT
TGAAATTTAATTACATTTATTTATTTATTAGGCAAATATCAATTTATATCCCTTAACCTATGAGATTATATCCTTTT
TACATTAGATGCATCAATTTAAATCCTTTTATTATGTTTGTGTTGAATATACTATGAAAGTTGGAAGTTTAAATT
GATATATTTTGTACAACCTTGTGTTAGTGTGTAAATTGATATTTTTCTTTATATATTTTATAGATCTTTTTGTT
GTATTTAAACATGGTTATGTTTCAAGTAAAAAAGGGATTGTTTTTCTCTTGTCTAATTTTGTGAGATCAAAGTCA
AAAGGAGGGTTTGGATTATTTGTTTGTCTTTGGGTTTGTGGAAGGTTGAAGATTTCTTGTGCTTTGT
GAGGTTAGAAATTCGAAATTGAGATTAGCGAAAGTAATTAATTAATAATGGTATAATTAGGGCACAACCTT
CCTCGATGTTAATGCACACAATCCCTGTCTGCTTTTGTCAATTTGTACTAATAAACCTTTTATTCTTCCTTACTCA
ATTTTGAATATTAATAAAAAAAAAAAGCATATTTTCAAGTCCACAGTTTTATTGTTTATATTTATTATCTTATT
TAATAGGTCAAAAATAATTTGAATATCATCATATATG

>trans_s_12323AY091669|Arabidopsis thaliana AT5g66170/K2A18_25 mRNA, complete cds

ACAAATTAATAATAATAATCCGATTTCATCGTTTTCCACTACCGATGAAACAAGCCAATCCCATCATTCTTCGATT
GAGGAAGTGGAGTCATCACCAACACAACCCCACTCCCACTTTTTCTCCGGCAGGTGTTGCAAAACGACATGT
CGTCCAACAAACCAGGAACGATCGGAATCAAATCTCACTATAAAGGAAATTTCCACGTTCTTCTTCGCCATCAG
AATCTACCGGCTGTTTCCGCCGCCGTTGTTCTTCCGCCGAGTCTCCGACTTTAAAAACCGCCACGGATTTTCG
AACCGCCGGAATTCGGCCGCCAATCATGGGCTCCCTCGATAGTTCTGATTCCGGAATTGTCACCGTCGACGTT
AAAACCGCGGATAATCTGCTCCATTCGGGCTACGCTTTTCTCGACGTCAGGACTGTTGAGGAGTTCAAGGAAG
GGCATGTGGCGACGGAGAGGATTGTTAATATTCCGTACCTGTTAAATTCTCCTAATGGTAGGATGAAAAATGC
TCAGTTTCTGGCGGAAGTATCGGCGGTGTTTAAGAAAGACGACCGCCTCGTCGTGGGTTGTCGAAGCGGCGT
AAGATCTTTGCTCGCCATTGAAGAACTCCAAAATAATGGTTACAAGCACTTGAAAGATTTGGGTGGAGGGCAT
CTAGCTTGGTTGGAGAATGCATTGCCCCGTAGCTAACCCGAATGAAAAGCTCACAACGACCCAAAAGTAATCA
AGGATTGTAAAATTGACGAAGTGTGATCTACAAGTTTGTGATTGTGTTGATGCATATTTGTGTTCACTATTTG
CATCAAACCATTTGTCAATGTAACATCTTCCATGATTTGCATCAAATCATTTTCAATGTAACATCTTTGTTGAATG
AATTGTTTATTGAATAAACCTTTTTTTCATCTTTAGTTTCTTTCAGTCGAACTTTCCGTTATTTACGGATCTATTC
TTCTAGAGTAAAGAATATTTAAGAAATTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12324GQ377436|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription
factor 16 mRNA, complete cds

AAAAGAAAAGATATTGTATATAAAAACTCATCCACTCCTTACAACCAGCTGCTTGTTTTCTTTTCACACCAAGTC
TATTATTCCCCCAATGGCCAGCTTCCCTTATGAAGATTCAAACCCTAACCCCTAATAATCTTAACCCTAACCCCTAA
TCATTATTATACTCCTTTTCTCCGATTCTCGATCCCCTTCTTTCTCGATTTTGAGCTCTCCGATTTCTTTTGT
TTGACGATAACAACAACAATAATAATAATATCGTCGACCAAGCTGCATCGTCCTCGCCAAGTATGACTTCG
TCGGAGAAGATCACTGGTGGAGGAGGAGTCGATAGTAGTGGCAGCTCTACTGTAATCGATACCGGATCTAGC
ATAGTAGTTTCATCGGGAGCGTCAACGACATCTATAAGAAGCAAAAATGGGGAGAAGAAAAGGAAAGGGGA
AATGGGATGTAGAGTTGCATTTAGAACCAATCAGAGCAAGAAATTATAGATGATGGCTACAAGTGGAGGAA
GTATGGGAAAAAATCTGTGAAGAATAGTCCTAATCCCAGAAATTACTATAAATGTTCAAGTGAAGGATGCAAT
GTGAAGAAGAAGGTGGAAGAGACAGAGAGGATGCAAACTATGTGATTACTACTTATGAGGGAATTCACAA
CCATGAAAGCCCCCTTTGTTGTGTATTACAATCAATTGCCATCCTTTACAACCTCTACCCCCACCTAGCAAACCT
ATTTTCTGAACTTACAGTCGTTGGATTAGGTTTAGATTGACTTTCTAAGTATTTAAAAATATCATTTTTTTAATC
ATTTAGTGGGTTGATCCGAGCATACCCTAAAGTATAATACGTCCATTTTTATTTCCATGTATAGGATCAATTTG
TATTTTGTATAAAATCTACATAGATAAATATATAGATGCGGAAGCTTTTTGAAATAATTAGCAACATTATTTTAT
ATAAATATAATAAAATCAATTGATCGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12325EU706342|Gossypium hirsutum NAC domain protein NAC4 (NAC4) mRNA, complete
cds

AAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGGGAAAGAAAAAAGAAAAATCTCAAATTCGTCTCTCCTTT
CTCCTCCTTACAATCTCCTCTATACAATGGACCCACTGACGCAGCTTAGCTTACCGCCGGGATTGAGATTTTTTC
CGACCGATGAAGAGCTTTTAGTTCAATATCTTTGCCGGAAGTGGCCGGCCACCATTTTAGCTTGCAACTCATC
GCTGAGATTGACTTGACAAATTCGATCCATGGGTTTTACCTGGAAAGGCTTTATTCGGGGAAAAGGAATGGT
ACTTTTTAGCCCAAGAGACCGGAAATATCCAACGGGTCTAGACCAAACCGGGTAGCCGGTTCGGGTTACTG
GAAGGCGACCGGTACGGATAAAATAATCTCGTCGGAAGGGAAGAACGTCGGAATTAAGGCTCTGGTTTT
CTACGTCGGAAGGCTCCTAAGGGAACAAAACGAATTGGATTATGCATGAGTATCGCCTTATTACTTCCTCC
AGAAAAACAGGAAGCTCCAAGCTGGACGATTGGGTTTTATGTCGGATTTATAAGAAGAATTCGAGTTGTCAA
AAGCCGACGGGGAGTATTTCAAGTAAGGAATACAGTAACGCCTCACCTCGTCGTCAATCGACGAAGTCATC
GAATCCCTACCAGAAACGGGCGACGATTTCTTTGCATACCCAAAAACAACATTACAACATAACGACATTATGA
ATAAATTCACTTTGAAATTCGGGCGGACTCTGTACATTCCGATTGGGCGAGTTTGGCCGGGCTTTACTCAGTG
CCGGAACCTCGCTCCCGTCGACCATTCCGGGGGACATTCGATTTCAAAAACAACAATAACACGATCGCTGATCTG
TATGTTCTTCAGTTACATCGTCGTTTTGCCAGGTGGATTATCCGCCGGCGTCGGCGTTCCGTTACTCGACGCA
ACAAAGGGACGGCGCGGAGTGTTGCGATTGAGATGAATACATATGGCATTGGAATTTACA

>trans_s_12326XM_002878118|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata adenylosuccinate synthetase,
mRNA

CGCCGCCAACTTATCGCCATCGGCGGCGTGCCGGAGACCCTTTTATGGGCGTCATCCGACCCTCTTCGTTTGCT
CATCTGCTAAGACCGTTGCGGCTGTTGGCTCTTCTGTGTCAGTGTCCAGAGTCGGGGAGGAAGGATGGTCTGA
AACGAATTGGGGAACCTCAGTCAAGTTTCGGGCGTGTTGGGCTGCCAGTGGGGTGATGAAGTAAGGGTAAA
CTCGTTGACATCTTGGCCCAGCACTTCGAAATCGTCGCTCGCTGTGAGGGTGGGGCTAACGCCGGGCACACGA
TATATAATGCAGAAAGGAAGAAGTTTGCACTTCATCTCATTCCCTCTGGAATCCTTAATGAGGATACTTTATGT
GTTATTGGAAATGGAGTTGTGGTGCACGTGCCTGGTTTCTTTGAGGAGATTGACCGTCTAGAAGCAAGTGGA
GTCTCGTGTAAGGGAAGGATCTTGGTGTCTGACCGAGCTCATCTGTTATTTGATTTCCATCAGGAGGTGGATG
GGCTAAGAGAAGCTGAGTTAGCTAAATCTTTCATTGGAACAACCAGGAGAGGGATTGGACCTTGTTACTCCA
GTAAAGTTATTAGAAATGGTATTAGAGTGGGTGATTTGAGGCACTTGGACACTCTTCCTCAGAAGCTGGACCT
TTTACTCTCAGATGCTGCTGCGAGATTTAAGGATTTAACTATACCCAGAAGTTCTGGAGGAAGAAGTTGAA

AAGTACAAAAGATATGCTGAGAGATTGGAACCATTTATCACTGACACTGTGTATTCATTAATGAAGCCATCTC
TGCAAATAAGAAGATTTTGGTTGAAGGTGGTCAAGCAACTATGCTTGACATTGACTTTGGAACATATCCTTTTG
TAACTTCCTCCAGCCCTTCGGCAGGTGGAATTTGCACTGGTCTTGGAATTGCTCCGAAAGTTGTGGGTGATCTT
ATAGGAGTGGTGAGTTTTTTTTATTCTTTTTTTTTTTTAATTTCAATTTTTTATGACTTTATTTAACTG

>trans_s_12327NM_111046|Arabidopsis thaliana ribosome recycling factor family protein /
ribosome releasing factor family protein (AT3G01800) mRNA, complete cds

GTTGGGTTTTATGAAAAACCCTAACAAGAAAACATCGAATCGAAGAAATAAGTTTGGTGGTCCATCAGTTGG
AGCATGAACCTCTAGTTCAATGGCTATGTTTCTAAAACGTTCTCTCTACAGAAATTTATCATTCTCCGAAA
TTTTGCTAATCAAACCTGTAACTTTTCTCTCTCTCAACCATTTCTCCAACCTCATGGACCTCCGACACCTCTGCC
GGATTTGCACTTCCTCCTTCAGATTTTCATCCGAGAGAGTCGTCGGGGTTTTGCTAAAGGCCGAAAATCAAATG
AATCTTCTACAAGTATTGCTGAGGCATTGACTGATATTAGACCCACGATTAAATCAAACGCTAGCTCGCAAATG
GAGGCTTCGATAGTTGCATTATCAGGAGAATTAAGCAAGCTTCGAACGGGCAGGGCATCATCTGGAATGCTT
GACCACATTATAGTAGAACTTCAGGTGTGAAGCTGCCGTTGAATCAGATTGCGGCTGTATCGGTCTTGGATT
CAAAAACATTGTCAATAAATCCTTATGATCCCAGTACACTAAAGAATTTAGAGAGTGCTATAATCTCATCTCCTT
TAGGTGTTGCACCAAGAGTAGACGGAGAGAGGTTAATTGCAGTAATTCCACCATTGACCAAAGAACATATCC
AGGCTATGTGTAAGCTGGTCACCAAGTGTTGCGAAGATTCCAGACAAAGTATACGACGAGCTCGTCAAAGG
CCATGGATACAGTTAAAAAGATTAGCTCAAGCTACCCGAAGGATGACATGAAAAGACTGGAAAAGGAAGTTG
ATGAATTGACTAAGAAGTTTATCAAGTCAGCCGAAGAACTCTGCAAGGCAAAGGAGAAGGAGATCACTGGAG
GTTAAAAAAAATTATAGTTCCCAATTTTGACAGATGAGTCATTCTAATAACTTGGTTGGATATTTTGTCTAAAC
TTTTAGCGTCCCATTATAGAGCTTTTTATAATCATAAGCGAGGGATGTAACAGTGGATGTTGAA

>trans_s_12328AY091702|Arabidopsis thaliana At2g24020/T29E15.22 mRNA, complete cds

ACATTCACAGCGGCTTTGAGCAATGGCGTCGACAATATCTCTGAGTGCTCAGCTGCCAAATCTCCGAGGAATT
TCTGATTTGAAGAAACGAAGCAACTTAAATTTGATGTCAAATATAGTTGGTACACGACTCTCACCTTATGGTCC
TTGGAAAGTTGAAAAAATAATAGATCTCTTTGCGTTTATGGTCTATTTGGAGGAAAAAAGGATGAGGAGAA
GAGTGATGATGCACCTTCAAAGGCAGGAATCTTTGGAACATGCAGAAGTTATATGAACTGTGAGGACAGC
GCAAAAGGTTGTCCAAGTAGAGGCAGTACGTGTACAAAAAGAACTTGCAGCGGCAGAGTTTGATGGCTACTG
TGAAGGAGAGCTAATAAAGGTGACATTATCCGGGAATCAGCAACCTATTGCGACAGAGATAACGGAGGCTGC
AATGGAATTAGGACCAGAAAACTTTCCCTTCTTGTTACTGAAGCTTATCAGGACGCACATCAGAAGAGCGTT
CAGGCCATGAAACAAAGAATGAGTGATCTTGCCAGAGCTTAGGCATGCCCCAGGGACTCAGTGAGGGATTA
AAGTAGACATTTTATGTCCGTCGAGCATCAGTTTTGTGAACACAGCGGCAGCGGGACAACCTTAATTGTAATCT
GACCTCGGCAGCAAATTCATATTAGTTTTTACTGGTGAACCTAAATGTTTGGGAACGAACCTTGTTCTCCATCT
CTAAATGTAAAAAGACAAGCTATGATGTTTATTGTGGTATCAGAACAAAGAATCTAAAGAATGAGATGAGA
ACGAGATTGTGAATTGTGCTTGTATCGACGCTGGCATTGAATTCTTGAAAAGGAGCTTAAACTTCTACTTT
GTGTAATCACGGGCAAATGTTAGTAAAATAATCTTTGTTCAATCTTCCATTGGATCTTGAAATGGGTAATAA
TATTGACTTGGTGTATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12329AB061251|Solanum tuberosum mRNA for NAD(P)H:quinone oxidoreductase,
complete cds

ATTGGTTACCCTGTATTTGCATTCTAATAAAAGAAATATTGGAATATATACACACATAAAAGAAAAAATGAGTG
CACAGTGACCACATGTTGTAGGAACCAACAATCCAATAGTAATGAGAATCTAAACTCATCCCTCAACCTTCATC
ATAAATCACACTTACTTTGTCTCTCATTAATTTCTCCACCATTATTCTCCATTTCATCGTCTCTTCATAAACCTAAT
CCAATCCATCCCATGGCCTCATTATCCACGGTGGTCGGATCTCAACCCGCAATCAAAGTCATCGCTCTCTGT

GGTTCTCTTCGCCAAAATTCTTCCAACCGAGGCCTCATTCGTGCCGCAACGGAGATAGCGAAGGAATCCATCG
AGGGATTGCAAATTGAATATTTGGATATTTCCCCATTGCCGATGCTGAATACCGATTTGGAGGTTGATGGGAC
ATATCCGCCCGTCGTTGAGGCGTTTCGCCGGAAGATTCTTGAAGCTGATAGCGTTCTCTTGCATCGCCGGAG
TATAACTACTCTGTCACCGCACCATTGAAGAATGCAATAGACTGGGGATCAAGGCCACCAAATGTATGGGGA
GACAAAGCAGCAGCAATAGTTAGTGCAAGTGGTGGCTCTGGTGGTGTAAAGATCACAGTACCATCTTCGCCAA
ATTGGAGTTTTTTCTTGACCTTCATTTATAACAAGCCCGAGTTTTTTCTTGAATGCACATCAGCCACCACCCAAG
TTCGACAGCAGCGGTGACCTGATCGATGCCGAAGTTCGAGCAAAGTTGAAATCTCTTCTTAGCATTGCATG
CATTTTCCTTGAGACTTAAAAGGAACTAACCCTTTGTAATCGATGAACGTTGGAATAAATGGCACATAACCA
TTCATGTGGAGTTGCATCGTTTTACAAATGAACATGTCATTTAAAAACAACCTACTTGAATAAGAGACGTGAT
TGTTCTGAATAGTTACAAATAGTCTATAAAATACTTAATAATACTTC

>trans_s_12330Z48976|N.tabacum mRNA for phosphoglycerate kinase (cytosolic isoenzyme)

AGTGATTGAATCCTTGTTGAAAAGGTTAATCTTCTTTTCTTGGTGGAGGAATGATCTTTACCTTCTACAAGG
CACAAGGACTCGCAGTGGGTAAATCACTACAGGAAGAAGACAAGCTGGACCTTGCTACCTCGCTCATTGAGA
AGGCAAAAGCCAAGGGAGTTTCTCTTTTGCTTCCAACCGACGAAGTGGTAGCAGATAAATTTGCTGCTGATGC
TGACAGCAAGGTTGTGGCAGCATCAAGTATTCCAGATGGCTGGATGGGTTTGGATATTGGACCTGATTCTATC
AAGAGTTTTGGTGAAGCTTTGGATTCTACCCAAACCATTATTTGGAATGGACCTATGGGAGTGTTTCGAGTTTG
ACAAGTTTGCGGCCGGAACGGAGGCTATTGCGAAGAAGTTGGCAGAGCTGAGTGGAAGGGAGTTACCACC
ATAATTGGAGGAGGCGACTCTGTTGCGGCTGTTGAGAAGGTTGGACTTGCGGATAAGATGAGCCACATCTCC
ACTGGTGGTGGTGCCAGTTTAGAGCTTCTTGAAGGAAAAACGCTTCCCGGCGTCAGTGCTCTTGACGATGCTT
GAGCTTGAGGGGAACCAACCTCTCGCCGTTTTTCATGTGTTATATCGTTAAGGTGGTTGTTGTTCAACCTTT
TTGAGGATTTTCTCGAGTTTGTGTTTTTTCTTGAGAAGAGGTTGTAGTTATAGGATAGATTATCATTTGAATA
AGTCTTAAATTCTCCTCTGAACGTATATGGTCCACGTTATTGGATTGGATCATTTTTTTTCCATCTAATTTGAAAT
GTTAAGTAATGTTAATGCCTGGTGCATTACGGCTGTTCAACCATTAAATCAAACGCCTTTTAGTTACAGAGGGTT
GTGGTTTATGATTCAATATTGTGGATGCTTGAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12331NM_202873|Arabidopsis thaliana pleckstrin homology (PH) domain-containing
protein-related (AT4G23895) mRNA, complete cds

AATTCTAGAAGTTGCCCTAAATCCCTTTGCCAATTTGTTGTAGCTATAGCAAGTCTTTGTTGTTTGATGGAC
TAATGAACATCCAAATTCCTTCATGGAAATTGTTGTTTTTTCTAGCTTTGTTTTGAGAATCTCCCTTTTATCATGC
AACCATTCTCTTTAGTTGTGCAACTGCTTCTCCAAGTTACAGTCATCTTAATGGATGATACCTCCACAAGGAT
AAAGTTTATTCCAGATCACTTTCAAGTTTCACTTCCAATTACAGACTGTTCTGAAAATAGTACCCCATCTCATC
CACTGAACACCAAGAGTAAAAGATTCATCAAGGATAGGTCACATGACCATTCTGGACTCGGCGAAAACCTAA
GAAGTGCCTCATTCATGTTGAACTTGCTTAGTCTCCGGCGACTGTCGTGGGGTTCGGGGAGTGATGGTCAAGA
AAAGGTTGTGCTGAGTGCTGTGGAGTTAGCAACATTGCGATCCGAGATTGCTGATCTTGAAGAGCGGGAAGC
TCACCTAAAAGCTCAGTTGGAACACATTGATGAACTTTTGGGTCTGCTCGTCTGTCGGGCTATTTGTACATTC
GAACTAGATGGGAAGCCCTACCAGGAGAACCTCCACCTATCGATGATACCGATGTCGACGATTGGCTACCAC
GCTTTGTTGTCTTACATGGAAAGTGTATATATTTCTACTTATCATCTACAGATATTAGCCCTCAGGATTCCACCC
TTCTAGCTGACATCGTCGAAGTGGGTTCTCTGCCGAGCATTACACGTGAAGATGAAGATGAAGATGAAGATG
TGAGATATGCATTCTACATTTCAACTCGTCAGGGGCTGCGATACGAATGCTCGAGTATTTCTAAGATTACAGGTG
GACTCTTGGTTATTGGCTTTGCAGAGTGATTGCAAGATAGGATGTGGAAATGAACTTCTAGTTCAAATAATG
GAAGTATTAGTTTGAAGTAATTAAGTATGATTAACACATTTTTAGC

>trans_s_12332AF197334|Eucalyptus camaldulensis calcineurin-like protein (EcCBL1) mRNA,
complete cds

ATTCTTTCGGATAAAAAAATACAATTTTTTACCATCCCACATAAATTTATCACATTTTCACCCTCAAGTTCCTTCT
CATATCGAAAATAGCATCAAGATTAACGATGTTCTTGATGCTCAATTGGACAGAATCGAAGGGGATAATCTTC
GTCGCCATCGATCACAAACAAAAAAGAGGCAATAAAAGCTTATCTAGGCTTTTTTTAGAGTCTCGATGATGTCC
AGGGGAGAAAGCTTCAGCTGGGTTTCTTCTAATTCTATTTCTGCTGTTGTTAAGTAAAGAATCCCCAATTTTTG
TACTGCCCCTTATCAGATCATTTGTGATTTTCAGATTGATTTGATTAGATATTGGGCTTTTGGATTGAGAAATCA
TGGGTAGTGCTTCATCGATGCTCACTCAATATGATATTGAAGAAGTTCAAGAGCACTGCAATAAACTTTTCTCC
CAACAGGAAATAGTGTCTTGTATCAGAGATTCTGCCAATTGATAGAAATGCCAAGGGGTTTATTTTCAGCTG
ATGAGTTCCTTTTCAGTTCCTGAATTTGCTATGAATCCACTTTCTCAGCGTTTGCTCAAGATGGTTGATGGCTTGA
ATTTTAAGGATTTTGTAGCTTTCTTGTGTCAGCATTGCTGCTAAAGCTAGTGTGCACCATAAGATTGAATTTATT
TCAAGGTATATGATGCTGACTGCAACGGGAAGGTGTCTTCAATGACATAATTGAAGTGCTTCGGGATTTGTC
GGGTCCATTCATCTCTGACGAGCAGAGAGAGCAAGTATTGTGCCAATTATTACAAGAAGCAGGCTATACAAG
AAACTCTCAGTTGACACTGGATGACTTCGTTAAGGTTCTTGTAATTCAGGCATAAAATGGATGTAGAAGTT
CCAGTCGACTAGTTGTTGATTTGTGATGTTCCATTCAGAACTTAGACCAGAGTGTATACATCTGCTTCAGTTCA
TCTGTTACAGAAGGTTGTAATGGAAGACAAGATTTTATACTTTGT

>trans_s_12333AB040543|Glycine max copz2 mRNA for nonclathrin coat protein zeta2-COP,
complete cds

AGTCGACGAAGTATTTGGACAGAGTCTCCTTTTTTCGATTTTCCTTCTCTTGCCTTCAATAACGCGAGAGAGAT
CCGACGGCGTTTGAATCCCGAAGAATATTTTCCCGGGAAAAATTTTTCAAAATCAAATGGAATCTTGCCTTC
CATTAAAAACATTCTTCTTTTGGATTCCGAAGGGAAGCGTGTAGCTGTCAAGTATTATTCTGATGACTGGCCTA
CAAATAGTACAAAGGAAGCTTTTGAGAAAGCCGTTTTCATCAAAACTCAGAAGACTAATGCTCGAACAGAGGC
GGAGATAGCAATGTTTGAGAACAAATATAGTGGTTTACAAGTTTGCTCAAGACCTTCATTTTTTTGTCACGGGTG
GAGAAGATGAAAATGAGCTCATTTTAGCATCCGTTCTTCAGGGATTTTTTGATGCTGTGGGCATTCTTCTTAGG
GGTAATGTAGAAAAGAAGGAGGCACCTGAGAACTTGGACCTCATTTTACTGTGTCTTGATGAAATTATTGACG
GAGGCATTATTCTCGAGACCGATGCAAATGTCATAGCAGGGAAGGTCGCAAGTCACAGTATTGATAGTAATG
CTCCTTTGTCTGAGCAGACAATAAGTCAAGCATTGGCCACAGCTCGGGAACATCTAGCAAGATCTCTTCTCAA
GTAATATGTTCTATTGATACAAGTGAGTGGCAAGAACTATCCCCACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAACAGTGAG
AAAAAAAAAGAAAAAGAAAAATTCTGGTCGAGTTGGGGTGCTGTTTTTGTAAGAGATTGATTGATGTTTG
AGTTATCAATAGCAGCCTCATCTCATGTTTGTATATTGAGCTCATACCATGCTGCCTTTGCCTTTTGGTAAAACC
TGATTTTGATCTGAGCAGATGTGGTTCGTTGCGGGACTGGTGCTAAGTGTTATTATTTGTGCCTGTGGAGTT
GCAAACTATGTTTTCTTTTAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12334AY450641|Solanum tuberosum cathepsin B-like cysteine proteinase mRNA,
complete cds

AAGATAATTGTGAAGCCCGAGAAAGTGAATTTCTGTTGTTTCGCCGATGGCAGCAGCATGGCGTGCGAACATG
GATGACGTTAATTCGGACGTTGAATCAAAGGGAACGTCTGGATTGGTCCTTTCTCCAAATCTTAACACTCCAT
TTTTTATACGGAACCTCATCTCTTCCATTTTCCCCACCCACTCTCTCTTCTCCTCCATTTTCATCGCCTTTGTTTCT
GTTTCTCTTTCTGATTCGCCCTTCCAAAATAGCAAGGAAATGGCATCATCTCAGTTATATTTGTCCCTTTCTTG
CTATTTTTGGCTGCCGTCTGTACCCACCATCAGCAGGTCCATGCAGAGGAACAAGTTCTAAAGTTCAAACCTCGA
TGCTGATATTCTTCAGGAGTCTATCGTTCGGCATGTAAACGAACACCCACAGGCTGGCTGGAAAGCTACCATG
AACCCACGTTTTTTCGAATATTCTGTTAGCCAATTCAAGTACCTGCTTGGCGTCAAACAACTCCTGAAAAGGA
TTTGAAAAGTACCCCTGTTTTATCCCATCCAAGTCTTTACGTTGCCAAAAGCTTTGATGCAAGAGAAGCTT

GGCCTCAGTGTATCAGCATTGGAACCATTCTAGATCAGGGGCACTGTGGTTCTTGCTGGGCATTTGGTGCTGT
TGAGTCACTTTTCAGATCGATTCTGCATTCATTTTGACATGAACATTACTTTGTCTGTTAATGACCTTTTGGCATG
CTGTGGCTTCATGTGTGGTGATGGCTGTGATGGGGGTTACCCACAGGGACAGTCGGGATACTTTGTTTCGTAC
GGAGTTGTTACTGAACAGTGTGATCCATATTTTGACACTACTGGTTGTTCTCACCTGGCTGTGAACCTGCATA
TCCTACTCCTAGATGTGTCAGGCATTGTGTAGATAAGAACCAGATTTGGAGAAAAACAAAGCACTATGGTGTT
AATGCTTATAGGATTAATAAGGATCCCAATGGCGGACGTTA

>trans_s_12335AL161472|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 2

TGAAGATAAGGAAGTGATTTTTGACTATGTAAAGGCAGTGTTGTCAGCATCAGGCCTTACCTGGAACCAGATC
TGTGTAAGGTGGCTTTCTTCAGAACAGCTTCTTGACTTGTTACTAATTGAGGAGGTAGATCTTTTCCCGAACCA
GCTATGCTCCGACCAGAAGCTCCTCTTTGACTGTATTAGTGAAGTACTTGCTGATGTCTGTCAAACTTTCCCCC
ATGGTTCTCATTTGTAAACCTTGTTTACGATCGGACTATCTCGTTGAGGTTTGTGAAGGAGTATATTGGCATC
TCCTTCCACTGCCACAGCCTCTTACATTGGACCACCTTGTACGAAGGACATGAACAGAACCAGAACATGGAT
AAACATTCATTCTGATGCTGAATCTATTGGTACCGAGACATGTGATGCCATATTCGATGATTTGGTGGACAATA
CGATATTAAGCTGCGTATGTGATAGTTCAGATGACTTGTAAGAGTTAGTGTTTCATTAGTAAAATAATCAAA
ACTTGGGACGACCTCCTTTTGATGAACTCTAATAGACTGAGCTGTTGCTAACTTGGTCCCTGAGATATGTGTA
GATATCAACCACAATCTTATTAGTTCATAGCCATGGCTTTTCTGGCCTTCCCAACTCGTTCTAGTCGTCAAAC
AATGCCTTCAATGGAGAAGGTTTAAGACTTCGGTCGTTGTGAAAACAGAGTCATGTTGTTTTTTACAGCTGAC
TAAAATCGACTTTGGGTCTGGTGCGATGTTTGCACAGTTGCAGTAATGGAGGTGGCACCTCCTTTGTAGATC
TTGTAGAGTTTGGTGTGTTGTATCAGTTGAGGAAATCGATATCGTGTGGTTTGATTTCATTGATTTTTTTTTTT
CCCTTCTCTTTCTGGCTCACTTGTTAGTGTGCTTTACTTTGCTTTGCTGCTGTATTATTGCAAAGATTATGAC
AAACTGTGAATTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12336NM_104116|Arabidopsis thaliana Ran-binding protein 1 domain-containing protein
/ RanBP1 domain-containing protein (AT1G52380) mRNA, complete cds

AGACAAAAGTGAAGGAGAGCCTAGTAAGGAGGCTGCTCCTTTGAACTCATTCCAACAATTATCGAGCAGCCA
GAATGCCTTCACTGGTCTTGCGGGTACTGGATTTTCGACATCTACATTCTCCTTCGGTAACATACCCAAGGATG
GGGTTGGCCTAACTACTAGTTTTGGTCTCTAATAATGGTAGCTCCGCCCTCTTGGTACTTCAGGTTCTTCCA
CTGTTTCCAAGAGTGAGAGAAGTGGCTTTCCATCAATGCAAGAGGTGCGAGTTGAACTGGTGAAGAAAATG
AAAAGGTGGTTTTCAATGCTGATTCTATATTGTTTGAGTTCATTGATGGATCGTGGAAGAAGCTGGAAGGG
GGAGCTGAAAGTTAATGTCCCTACTAGTGGGACCGGCACAGGGAGGATTCTTATGAGAGCCAGGGGAAATTA
CAGGTAAATTTGAATGCAAGTCTTACCCTGATATGAAGCTCACAAACATGGACAAGAGAGGAATCACCTTT
GCCTGCATGAACAGCACCATCGATGGGAAGGATGGTCTCTCAACCTTTGGTGTGAAGTTCAAGGATGTATCCA
TAGTTGAAGAGTTTCGAGCAGCAGTTACTGAACATAAAGGTAAAGCTTCTTCTACAGTTCTGAAAACACCTGA
GAATTCTCCTTAAGAACTCGATGATTTGAAAGTTCTACATATTTTCTGCTTTGTAGTGGGAGTATCTATCACGAA
AGACAGCTCGAGCAAGTAGTTTTTTTTTCCGGTTCGGCGTTCCATAAGCCATTATGTAGCAGAGTCATAGAAT
CTTACTCATTTTGTGTAGCTTTATTTGTCATATTAGACTCCTTTTCTGCTCATATCTTTTGGATGGAACATATTTT
GAGGCTTGAATATGCTCCCAAACCATGGAATTGGTAGAATCTCATAATTGTTCTTTTAACTTTGCGATATGAAT
CAGCTTTCGTGTTTCGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12337AJ749993|Catharanthus roseus mRNA for 40S ribosomal protein S9 (rps9 gene)

GAGGCCTGTCAGATGCAGCCTTGTCACCTTAGTGTCATCTCGTCCATCAAAGGGACTTGCCTGTCTATTTCC
TCATTCATATCATGTGCCATATTCTTCAGAGTATCCAACCTTCCGATATCATGTCCAATCCTTGATCCTGCTTCA
TTTTCTCATTTCACTCCTGCCTGAACTGACTAGACTGCTCAGTGTGTTGGAAGTACTCATCATCAAACCGCC

CATCTGAGTCAAATTTGATTTAGCCTCGTGCCGAATTCGGCACGAGGGCCGCTCTTCATATACCTTTCTTCCCC
CTTCTCCTCCACCCTTCTTCTTTCTCTGGCAGTGGAGATCATTCTGTTAGTGCAGCCGTAGCAGAGAAGAGATC
ATGGTGACGTTTCCTTCTATAGGAATTATGGGAAGACGTTCAAGAAACCCCGACGTCCTTATGAGAAGGAGC
GTCTGGATGCAGAGTTGAAATTGGTTGGAGAATATGGGCTTCGTTGTAAGAGGGAGTTATGGAGGGTTCAGT
ATGCTTTGAGCCGAATCCGAAACAATGCTCGGATGCTTTTAACTCGATGAAAAGAATCCGCGTAGGATTTT
TGAAGGAGAGGCTCTCCTTAGGAGGATGAACAGATATGGTCTCTTGGATGAGAGTCAGAACAAGCTCGATTA
TGTCTTGGCTCTTACTGTGGAGAATTTCTTGAGCGTCGTCTCCAACTCTCGTGTTCAGTCTGGTATGGCCA
AGTCTATCCACCATGCTAGAGTGCTCATCAGGCAGAAGCATATTAGGGTTGGAAGGCAGGTGGTGAACATTC
CTTCTTTCATGGTGAGAGTAGACTCCCAGAAGCACATCGACTTCTCCCTCACAAGTCCATTCGGAGGTGGTCGT
CCTGGAAGAGTGAAGAGAAAGAACCAGAAGGCTGCCGCAAAGAAGGCTGCTGGAGGAGATGGAGATGAAG
AGGATGAAGATTGAGTTACTTAAACCTTATCTATCTATCACTATTTTATC

>trans_s_12338XM_002329264|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

CATTAACATGCCAGATTGCTCCCTGAGATTATCGACATTTTCATCATTTTTGAAGCTATTTACTGCTGTTCCGGT
TGTGGTTACTGCCTATGTATGCCATTACAATGTTACAGCATAAGCAATGAACTGGAGGATTCTTCACAGATAA
AGGCAGTTGTACGAACTGCCATTGCTTTGTGCGCTTCTGTTTATATTATGACCAGCATCTTCGGCTATCTCCTTT
TTGGTGAAGGAACTCTCTCAGACGTACTTGCAAACCTTTGATGCTGACCTTGGCATTCCCTATGGTTCTGTGTTT
AATGATGCTGTCCGTGTCAGCTATGCAGCACATCTGATGCTTGTATTTCCAATCGTTTTTTACCCGTTGAGAGTT
AATTGGATGGCCTCCTCTTTCCATCCGCTCGACCATGCTCCGAGACAATTTGAGATTTTCGCTGATCACAGTC
ACACTTATTACTCTCCTTTTCTTGGGAGCAAATTTTCATTCCAAGCATCTGGGATGTCTTCCAATTTACTGGTGCA
ACTGCTGCTGTCTGCCTTGGATTCAATTCCCTGCTTCTGTAGCTTTGAGGGATTACACAATATAGCGACGAA
AAAGGACAAGGTGTTGGGTATTTTCATGGTTGTTCTTGCAGTTTTCTCAAACATCATTGCCATATACAGTGATG
CCTACGCATTGTTCAAAAGGGACTCCTCACCCCGAACTAATCGATCATGCTCTCTCTCTGATCACGACATG
ATCGTTGTATCTTCAGCCAAGAAAAGCTCAACTGATGCAAAACCAGATGCATTGTGTCAATCGGAAGTTTGAAG
GTTTGGGTAAAGACTTTTAGTTCAAATAATTAGATGAATGTGCAGTTGTGTTGGAGGTTGGTTCGTAAGTGTCT
ATTGTCCTTCATGTGTATTATATAATATTATCCCTTATTAGTTTGCAATAAACATGATGGAACGTTTGATGG
ACACACGTTTCTATTGTTTTGTTGTTGTCTATTA

>trans_s_12339XM_002876351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAATTCAAATTCAATTTCTTCTTCGTTAATCATCTCTTCCATTTCTTCTCACTAAGATTTCGCACCACATTTTCTT
GAACGAATTGGAATTTTGGTTTTCTGATATCCGCAAATCAACGGATCTCATGGAGGCAAAGATTGGCAAATT
GTTTGAATCCGTTTGTTCGTTCTTCGGCGGTGGCGACCAAATCCCTTGGTGTGATCGTGATGTTATCGCTGGGT
GTGAAAGAGAAGTTGCAGAGGCCGATGAAAGTGCCTCGGAAGAACGCAAGAATGAAAGTATTATGAGGTTA
TCATGGGCACTAGTTCACTCAAGGCAATCTGAGGATATCAATCGTGGCATAGCAATGCTTGAAGCTTCCTTAA
CCATTTCTAGGACCCCTTTGCAACAGAGGGAGAACTTTATTTGCTGGCTGTTGGATATTACAGAAGTGGTGA
ATATGCAAGGAGTCGGCAGCTTGTAGAACAATGTTTAGAGATTGCACCTGATTGGAGGCAAGCCTTAACACTT
AAAAAGACTGTAGAAGATAAAATTGCAAAAGATGGAGTCATCGGTATCGGCATTACAGCTACAGCGGTGGGA
CTTATAGCTGCCGGGATTGCAGCAGCAGCAAGTCGTAGAAATTGAAATATCTATTCAATACATGCACAAGTCA
AGTGCTTGGCCATGAGAAGAATCTTTAACAAAACCAAAATATTGTTGAAAGCAAATATCTCATATAGTTGTGC
ATTATAAGAATTTTTAATTTCAACACTAGAAATCTTATTGTGTCTTCTTTGCTCATTTATTTTCTTTGTATGAA
AAATAAGTTTACTAGTTACCTATGTTTACCTTCTATTCTGTGCATTTCTCAACGCTGAAAACATATGTTTGG
TGTTGAAAATGTTGGTGAAACATTTTTGTTGGTGATTGCAAAAAAATAAATCATAACTAATAAAGATTAT
TGCAATTTCAATTA

>trans_s_12340XM_002871283|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisome biogenesis protein PEX1, mRNA

ATAGCCAGCCATCATTGGATTCAAGTCGCTCAATTCTCATTTTCAATTCATGCGCCCAACTAGTTTGATCTTGG
AATTGAATTCCACTATCTAATTCACCTCGTTTCTGCCGCGGGTTTCCGCTTGTGGAAGCTCCATTCTAAAATACTA
TGGAGTTGGAGGTGAGGACTGTGGGAGGGATGGAGAACTGTTTTGTGTCTCTTCTCTTGTTCATCCAAAC
TCTCGAGAGGCGGCCTGGTTTTGCCTCGGCCATGGACCGTCTCCCTGAAATACTCGTTCCTTGAACCTCGTAATT
CCTCTTCCGATGAGGTCTGGACGGTTTCTTGGTCTGGCGCTACCTCAACTTCTTCTGCAATTGAGGTCTGCAAG
CAGTTTGCAGATTGCATTTCTTACCAGACTGTACCACTGTTCAAGTTCGAGCTGTTTCTAATGTGCCAAACGCT
ACTGAAGTCTTGATAGAGCCATATAGTGAGGATGACTGGGAAGTTTTAGAGTTAAATGCAGAAATTGCTGAG
GCAGCCATGTTGAACCAGGTCAGAATCATTATGAAGCAATGAGATTTCTTTGTGGTTGCACGGTCGAACGG
TTGTTACGTTTCGCGTGGTTTCTACTTCTCCTAAGCGTGCGGTGGTGCAACTTGTGCGTGGAAGTGAAGTAGA
AGTGTTATCAAAGACACGCAAGAAATTTCTGGACTCTAGAAAAGCTATGCTGCGAGTTCAAGATCTAGACAAG
AGATTGATTTACAATAGTAATTGTACAGGCATTGAGGTTGAGTAGTGCCAACTTCTGTTGCCTTTATTCATCC
TCAAACAGCTAAAAGTTTCTCATTGAATTCTTCTGAGTTGGTTTCTATATTGCCTAGATCATCACGAAAAGATA
GTGCGAAGCGTAGTGAGAACAAATGATTTTGGGGAAGTTGAAAGGTTCAACTGCAAATCAAACAGTGGAGA
AAGAAATAATGGAGAGAAAAACCGACCGGCTATTGTTTATCTTTTA

>trans_s_12341NM_001049267|Oryza sativa Japonica Group Os01g0276800 (Os01g0276800)
mRNA, complete cds

ATCTCAAGTTTATCACAAAAGCTAAAGAATGATTTTGGTCCAGAGAAGGAGTTCTATTCATTCTATGATCAATG
TTTTGAAATCAAGGAGAACAAATACGTTTACAAAATCTGTCCTTACAAACAAGCTTCACAGGTCGAGGGGCAT
TCAACAACCTCGTTTGGGGCGCTGGGATAAATTTGAAGACTCGTATAGGGTTATGATTTTTTCAAGTGGGGATA
AGTGCTGGAATGGACCTGATAGAAGCTTAAAGGTTAAGCTAAGATGTGGGGTTAAAAATGGCATAACCGATG
TAGATGAACCAAGCCGTTGCGAGTACGTGGCATTGTTATCAACCCCAGCTGTTTGTGTAGAGGAAAAGCTTCA
GGAATAAAAAACAAGTTGGACATGCTGAGTAAAGAAGAGGCAGAGAAGCATGATGAACTTTGAACTTCAG
AATACAACGGGCTAGAGGAATGGTTTTTCTCTAAATCAGAAGGTGTAGTTCTATTATGGGTGCGGGGAGTGAC
ACTTAAACCTAATCCCCATTTTCGGACGTGGGATCTGCCAGACTAGTTTATGCAATTGATCTCGATAACCTA
TCAGGCCATCTTTGTGGACTAATTTATACTAATAGACGGAATGTCCAAATTATAATGAGCGAAATGGATATTTG
TACTAGATGAGCTATATAACATTCATTTGAATTTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCC
CCCCCAAAAATTTTACCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGCCCCGGGCCCCCATTCCCCCAAAAGGGGGCCA
AATACCCCCCCCCCGGGGCCGCTTTTAAACCGCCGGGAGGGGAAAACCCCGGGGTTCCCCCAATTAAACC
CCTTGGAACAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAACCAAAAAGCCCCCCCC

>trans_s_12342L46702|Solanum tuberosum kinesin heavy chain-like protein mRNA, complete cds

AGCAACGGCATACTTCGGAGACTCAAATGAATGAAGAAAGTTCAAGATCACATTTGATACTTTCAATTATTATT
GAAAGTACCAACCTTCAGACACAATCTGTTTCTAAAGGGAAGCTTAGTTTTGTTGACCTTGCGGGATCAGAGA
GAGTGAAGAAGTCAGGCTCTTCTGGTAGCCAATTAAGGAAGCTCAAAGCATAAATAAATCACTTTCGGTCTCT
TGGAGATGTCATCAGTGCTTTGTCTCCAGGGGGTCAACACATACCTTACAGAAATCATAAGCTCACTATGCTG
ATGAGTGATTCACTCGGTGGCAATGCCAAAACGCTTATGTTTGTAATGTCTCTCAGCCGAATCCAACCTGGAT
GAGACGTACAATTCACCTCATGTATGCATCAAGAGTTCGATCAATTGTTAATGATCCAAGCAAAAATGTATCATC
TAAGGAGGTTGCTCGACTGAAAAAATGGTTGCTTATTGGAAAGAACAAGCAGGTAGGAGGGGAGAGGATG
AGGAGTTGGAAGAAATTCAAAACGAACGACATACTAAAGAAAAAAGAGACGTTAGATATTCCATGTAGAACC
TTTAGTACGTTGCAATTATCAAGTATATAACTTGGTAGGTAGGGTTGGGCGATGAGAAGTGAATCGACTAAAT

GCCATTTGTTACCATCTTATATCTGATTCTTATATTGCCATTGGGAATTTGGACTGTAAGCTTAGCTTTTTA
GGATGTCTTGCATTGTATAGTTTGAGTAGTTTTGTATTGTATATATGGACAAATTTGTTGTTATCTTATCTATAC
GCTACTTCTGTAATTAATGAATACTTCAGCCCTCCGGGTACTTTTGTGTTTTGTTAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAATTTAACCAACCCCCCAACCCC

>trans_s_12343AB360618|Lycium barbarum UGT85A18 mRNA for glycosyltransferase, complete cds

ACAACACTACAACTTCCTTTCTAAACTTTAGATTCAAAACAACAACAACAAAAACATCGATATGGGTTTCGATT
CCATTTTCGGAACAACAGCCCCATGCGGTTTGCATTCTTATCCAGCACAAGGCCATATCAACCCCATGTTGAAG
CTAGCAAAGCTTCTTCATTCTTTGGTTTCCACATCACCTTCGTC AACACAGATTTCAACCACCGCCGTCTCCTTA
AATCTCGAGGCCCCAAAGCTCTCGATGGTCTTTCGTCTGTTTCGATTTCGAGTCGATCCCTGACGGTCTTCCTCCG
ACTGACGTCGATGCCACTCAGGATATCCGTCGTTGTGTCTGAGTCGACGAGACAGTTCTGCTTGCAACCGTTTAA
GGAGCTAGTCTCTAAGCTGAACTGTGATCCTAATGTTCCACAAGTGAGTTGTATTGTGTCTGATGGGGTTATG
AGCTTCACAATTGATGCAGCAGACGAACTTGAGTTCTGTTGTTTTGTTTGGACAACAGTGCTTGTTGGGTT
CTTGGGTTACCTTCACTATCAACAACCTGTTGAGAGAGGTTACACCCCTTCAAAGATGAAAGCTATTTAAGCA
ACAAGCAATATTTGGACACAAAATAGATTGGATTCCAGGAATGAAAGACGTTTCGTATAAGGGATATTTCAAC
ATTTATTAGAACAACAGATCCAAAAGATGTAATGGTTGATTTTCATATTAGGTGAAACAAAAGAGCAAAAAGA
GCAAATGCTATTGTTTTAAACACAGTCGATTTCATTAGAACAAGAAGCTTTAAATGCTATGTCTTCTTTTGCCA
CCTCTGTTTTCTCCATTGGTCTCTTCAACTTCTCTCAAACAAGTTGCATCCCATGATTTCGGATTCTTTGAAGT
CCCTCGGTTCCAACCTGTGGAAAGAAGACACATCTTGCTTNCATGGCTTGACCAATGTCAGCTAACTCTGTC
GTTTACGTCAACTTCGGAAGCATCACAGTAATGACCAA

>trans_s_12344NM_001069812|Oryza sativa Japonica Group Os09g0439700 (Os09g0439700)
mRNA, complete cds

TTAAACGTACAATTCACGTCTGATCCTTTTGATGGTTTCAATGGGTTATGGTGTGTTAGACCTACTCTAGGTG
GACTGACGTCAAAGGTTCTCCTTGGATTAACCTTCTTCTGGCATCTGAAGTTCTGGAATTGGTTGAGAATGTG
GGTGCTGTAAGTGATCTTTCAGGAAAAGCAAGACTTTTCTGGTACTACCTGTGGCAATCTTGGATGCTTTCTT
CATTCTTTGGATATTTACCTCCCTCTCCGCAACTTTAAGCAAGCTTCAGGCTAGAAGATTGCCATCTAAATTGGA
CATTTACAGAAAATTCACAAATGCATTGGCGGTAAGTGTATTGTTTCTGTGGGTTGGATGTGCTATGAGCTTT
ATTTCAAATCAAATGACATTTACAATGAGCAGTGGCAAATGCATGGATCATCCCTGCCTTCTGGCAAGTCTTA
TCATTTTCTCTATTGTGTGTCATTTGTGCTCTCTGGGCCCCCTCTCAAATTCATGCGGTATGCATACTCCGAA
GATGCACACGAAGACTTCGACAAGGATGATACAAATTTAACTCATAAGACCATCTCCTATTTCTCGCCTTC
AAAGGACGTTTCGGAGCGTACCAGACATTAACCACTGCGTGGAAGCGACAATCCAGCTGGTGATTTAGAAGA
AGATAAAACAGAATAAAATTGGAATTACAGGTTCTACTTTTGGATATCATAAATAGCCATAAGTTCATTTACTTT
GTTATTAGCTGGGAAAATCTGGTAGTTTATAATTTCCATGGAAGAAAATACTATGAAAAGGAAAAACAGCTAT
TTCAGTTTTGCTTTTTTGGGTTGTTCTTAAATCTTAATAGCCTGATGTAATAGTAGACTAGAGAAGTATTGTAG
GTTTTTATAAATATTTTCTCTCATGTAGTTTTATCATTTGTTTCAAATAATCCTTCTTGTAAGTGTGCCTGATT
TTGATATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12345Novel Gene

ACAACGACTCTCGGCAACGACAGAGCATCGATATGAAGATGGTGTTACTGTTCCGTTGCGGGCATAACAACAA
ATGGATTCTTTCTCTACTTCTTTCGATCTGTAAGCTTGATTCTTCGTCAAGCAATTTTCAGTTCCGATGAGGAA
GGATTTTTCTACATTCGTCTCTTTTTTTTTTCCCTTATACAATTTGTAATCTCTTCTTCTACTTCTTCTCAAGG
CCGATCCAATGGGTTCTCGGACGTGTAAATCACTCGAGTACTCAATTTACCCGGCCGATATTTTTTTGGGGCA

GCCTCAAGGTTTTGCATGGTTCTCATTCGTGCTCTAATTCAGGGAACTGCCCTAAATTCTTCCTTTTGTTCAATTT
ATTCATTGTTTTCCCCTCTTCTTGCATAGTTAGATTGTGTAACCTGTTCAATTTAGGGATGTTTTCGATAAAC
GACGTTTACTGTGGCTTAGGGTTTTCTTTTAGCGGAATTGTTTGTGTTGAACGAAATTCAAAGGAATTGGGGG
TTATTGCGATGAATCCTTTTAACCGGTGGAGATTCTTGTTACGGCTGCGTTTGATTGATTGACCTGATCTCA
GTCGGTCTTTGGGTTTGCTCATTGGATATGTTTTAATTATTCCTGAATAAGTATCTATCTTTCTTAATTAGTCA
ATACATTAATGGGTATTTTTCTGGATGAACTTGGTTAATGTGTTTGTCCCCTATTTTCTATCAACATTTTTCAGG
AATTTGAGACAGGCGTTTCACGAAGTTGGGTGCTAGTTTTTGATAGCTTCACGAACTTTTATCTTCAAGTCA
AGGATGAAGATGTTTTTGATATATCTGTGAATTGAATGGTTTGATTTAGGATATGAAATGCTTATGTAGATCTC
CAACATTTTCTAACTTGTAACATAATAAATGTTGAATTAGAATGTCGAACTTAGTTTGAGAGTAAATATTT
TTCTCTTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12346AY057538|Arabidopsis thaliana AT4g32140/F10N7_50 mRNA, complete cds

AAGGAGCAAGCGAAGAGAAGAGGGGGAGGGATAGACGGGAAGTAACCACCACACCCATAGCTTTAATTCTT
CGTATCTCTGCGTTTCTTTCATTAACAATCTACCCATTGCAATATAACCTGAACCAACACCAATCTTCAAGCAC
CCATTGTTCTTTCTACCAACCCATTCACTTTCCCCCTTCTAGATCCGTTTTTTTTCACGTTTTCCCATGCCCACC
ACTGAATTTGAAGCGACCTTGAGATCTGGAAGAACACGTCGATCCCTTTTGAATTTCTGTGATTTTTCTATCT
GGGTTTTGTGTTTTCTGTATGGGTTGGAGGTATAAGGCTGGTTTGTCTCATAGTGACTGTTGTTATTATAT
GGGTTACCTCAGCCGAAGTGACCCAGGACATATTTACTGCTTATAAGCAGCCTTTTGCAATAACATATCTCGGA
GCTTCTCTCATGGTAGTTTACCTCCCAATAGCATTCTTAAGGATTGGTTTTGTAATTTGGTAAACGCCACTCT
TCTAAAAGTGGTAAAAATGCAGAAAGCTTCAGTGAGACCTGTGCTCTAAAACAAAGTGGAGCCGAGACAAAC
TTGGATGTGGAACCTCAGGGAAATTTACTAGAAAAGACAGTGATGCTGATTTTTCAACTCATGCTGAAGAAA
GCCCCCTTGTCTAGAAATAAAGATGATCCATATATATTGAAACAAGAGAAGGAGCTTACTAACAAGGAAAT
TGCCACATATGGATTCTACATTGCGCCCATCTGGTTTGTAAACCGAGTATCTTCAAATGCTGCACTTGCCCCGA
AAAGTGTTGCCAGTACAACAGTTTTATCTCTACTTCTGGACTTTTTACTCTGTTTATTGGTGCTGCCCTTGCC
AAGATTCATTAAATATGGTTAAAGTCGTTGCTGTCTTCGNTAGTATGGCTGGTGTCATTATGACAACTCTTGGT
AAAACCTGGGCTCCGATGAGTCACAACTAACTGCTTCTG

>trans_s_12347AY568518|Arabidopsis thaliana single domain cyclophilin type peptidyl-prolyl cis-trans isomerase (CYP21-1) mRNA, complete cds

CTCGTACGATCGACTCTCCACCGAATTGCTACCCAGTTCCTGTCCTCGCCGCGGCGACTGACATTTTCATTTGCATTT
CCTATTTTTTCAATCAAATTAATTGAAACCGCTGAATCGAGATCCGCCATGGAGTTCCGACTATGAGAAAATTT
GTGAGCTTGAAGAAGTAAGACACGGTTTGAGAGCCACGTTAACGATGCCTCGAGGATTCTCTTTGTTGTATCA
ACCACGATGCCTCCTTCTCTTGATCGTCTTTCTCATTTTCTTGTTTTCGCGCTCTTCACTCACAATCAAAGGGAA
GAGAAACAAGAAGAAGAGCCAGAAATTACTCACAGGGTTTTCTTGGATGTTGATATTGAAGAACAGAGATTA
GGTAGAATCGTGATTGGATTATATGGGCAGGTTGTACCCAAAACCGTAGAAAATTTAGGGCTCTATGCACAG
GGGAGAAAGGTAAAACCTACAAGTGGAAGCACTCCATTATAAAGGAACACCATTCACCGTATCGTATCTG
GTTTCGTGATTCAAGGTGGTGATATTTTATATGGTGATGGAAAAGGATATGAATCAATTTATGGTGGTACATT
TGCTGATGAGAACTCAGAATAAAACATTCACATGCAGGTGTTGTCTCCATGGTAAACTCAGGACCTGATTCA
AATGGCTCACATTTTTTATTACCACCATTAAGTCCAGCTGGTTAGATGGAGAGCACGTCGTCTTTGGCAAGGT
TATCCAAGGAATGGACTACGTATATGCAATTGAAGGCGGAGCAGGAACCTATAGTGGGAAACCTAGAAAGAA
GGTTACCATTGCTGACAGTGGGGAGATACCAAGAGCAAGTGGGATGAGGAAGCATGAACGTGGTTTTGCTA
TTAACAACAGAAAATTTTCGTTTATTAATTCTTTTTTCCCTCTATGGTTTTCAAGTTTCTTTTGATACGCCCTAAT
ATCTACTTGTATGTATAAACAATATTATAGAAGTCATGTTGAACC

>trans_s_12348AB375061|Cucumis melo CmDLC mRNA for downward leaf curling protein,
complete cds

TGCGAGGGAATGGAATTGAAGAAAGAGAAAAAAGAGAAGAAAAATAATGAAATGATCAAAACCCTTCT
TCCATTTCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCCTTCAACTCTCAACTCTCTGCTCACAACCTCTCAACTCTCAACTCTCAA
ACATCATCATCAACAACAACAGCAACAACCCTCCGCTCCTTCTCTTTGTTTCAACTTCTGTTTCTCAATCAAATGT
AGAGAAATTTCTCTGACCTACCTTTTCTTCTACCAACAACATCAACAACGAGGTTTTCTGAAATTCCGCTTCA
CCTCATAGGGAGATGAACAAGGAGCAGCGACCTGAACCTCTTGATTTCTTCATTTGGACTGTTGAGGATGTTG
GTTTGTGGTTGGAAGAGATAAATCTTGAGGGTATCGCCAGACTTTTAAAGAAAATGGGGTCAATGGTGAGT
ATCTCGAAGGGATGTCAATGTTACGACCGAACAGATTCTAAGGTTTATCAGACGATGCCATATGAAATGGGG
AGATTTTCATCACACTTTGTAAGGAACTTCGACGAATTAAAGTGGCTTGCTTGAAAGGGGAGCAAAAGGTACGT
CGGCCATGGTGGGCACCATCATGCCTCTCTATGGTGTTCCTCAAGGTGGCTAAGCGTAACAGACAATCTCGAG
TTGTTTCCTTGAAGCTGGAACCATAGAACCGAGATCAACTTATTTGTATGTGCTCATGTATTTCTTTTATGCGT
GAAGAATATAAAAGGTAGAGAAGAAACATATTAGTTTATCCTTTTCTAAAAAATTTAATCGGTCAATATTACC
TTTTCTTTTTTGTGTTGTTTTGTTTTCTTTTTTTCGTTTTGTTTTTCTTTGTTTGAAGTATGTCTATATA
TACAAGGTTTATGTGTTTCTGTTTGGCGATCCCGCTTGAGGAAAAACAATGAAGCAACCAAGATCTTGTTGCAA
ATTATACAAAAA

>trans_s_12349XM_002892263|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein,
mRNA

GAAAAGTTAAAAGGGTTTTGCACATTGCTTGGACAATATTAATGGAGGTGGAATTTTGCCATCGGGGAAGT
GCTGCAGCCAAAAGTTCGCACCACTCCACTAGTGCCGCAACAGGCACATTACAATGTGTTTATGAAGGCAATT
GAGGTTGACAATGAAGTGCTGAATCTCCCGACGGATGTTTTGATACTGATTTAAGGAAAGGAACAATTATTG
ACAGTGGCACAACGTTGGCTTATTTCCAGATGTGATTTATGAACCATTAAATTCGAAGATTTTGCAAGGCAG
AGTACACTAAAGCTGCATACTGTTGAAGAACAATTTACCTGCTTGAATATGATGGAAACGTTGACGATGGAT
TTCCTACAGTGACATTTTATTTGAAGATTCCCTGTCTTGACAGTTTATCCTCATGAGTATCTATTTGATATTGA
TAGTAATAAATGGTGTGTTGGTTGGCAGAATAGTGGTGCCCAATCTAGGGATGGAAAAGATATGATTCTGTT
GGGAGATTTGGTGCTGCAAAATAGACTCGTGCTGTACGACTTGGAATATCAGACCATTGGTTGGACAGAGTA
TAATTGTTCTTCAAGCATTAAAGGTGAGGGATGAACATAGTGGAGCTATATACAGTTGGGTCTCATGATCTTT
CTTCAGCTTCTTCTAAGAGTTGAAAGAATATCGATCCTCTCGTTAATACTACTGCTTACCATACTTCATTCTTT
TAGAACTAAAATAGATTGTTTACAGAGTTTATCGATTACATACACCACGTTGTATAATAATTATTTATGTA
TATGCTCTGCCATACGATCTTTTACATTATTCAATTGGTCTTTAAGATCCATTGGCAGTGCTGAATGATTCTT
TGGGCTTCTGAAAATACTTGATTGATCTTTTATGATTGGTAACTCATTTGTTTTGGTTAAGGATCAATTT
CATATTCAAGCTGTTCTCAAAAAA

>trans_s_12350NM_001057849|Oryza sativa Japonica Group Os03g0756000 (Os03g0756000)
mRNA, complete cds

AGAAGGTTGCTGAGGAGAAGCTTGGCCCCCACTTGAAGTTATTGCTCCTATCAAATACTGATTTGTGATTTTG
ATCTCAGAATCAGGGATACTGGAGAATTGAGTTGCAGTGGGATTTTCATCTTTAATTTTATAAACTTTTATCTC
TTTTTAGTAGACCATGATACATCTCTGTATGCTTCTAGATTTCTAAGTCAAGTCAAGTTTTTGATACATTTTG
TTATGCATATCCAGTAGATTCACGATGCCTGTTTTAAACCAAGCAAAATGTTTTGATTACTTATTGTTATTTA
TATTTAGTTTGTGTTTTAAAAA
AAAAA
AAAAAAGGGCCCCCCCCCCC
CCAAAATTTAAAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGGCCCCCATTTCCCCCAAAAGGGGGCCAAAT

ACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAAACCCCCGGGGGGGGGAAAACCCGGGGGTTCCCCCAATTAAACCCCT
TGGAACCACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCATCCCCCTCCCCAAATTTTC
CCCCCCGAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCGGAACGGCCCCATTAAACCGGGGGGGGGGGGGGTTACCCCC
AAGGGGGCCCCTAACTTTGGCGGGCCCCCAACCCCCCCCCCTTTCTTTTTTCCCTTTCTTTTTCCCCCGTTTC
CCGGGTTTCCCCGAAAAGTTTAAAACGGGGCCCCCTTTTGGGGTCAAATTTAGGGTTTCCGCCCCCCCC
CCCAAAAAAATTTTATAGGGGGGAGGTTTCACGAGGGGGCCCCCCCC

>trans_s_12351XM_002884370|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FMN binding protein, mRNA

GTAAATCTTCAATTTTGAAATCAAGCCGCGTGGAGTTGCTTGAGCCGGCGGACGAGGGAGTCCGGTGAACA
ATGGCGACGCTGACGCCACCTACCTTAACCTTCCGAATTTGTTCTCACACTGCCTTAAATGGCCGAATTGCCTTT
CACTTTCCTCGTTCTTTGACCTCCTCGTTCAATCATCGTCTTCGTCTTCCACTTCCATGGCTGCGTCAACGGACT
CCACTTCTCAGGCTCCGTCTGGCTATGCTAATAGCGACGACATTGATGTATCGAAGTTGATTCAAGCTCATCAG
GAAAAGGCGGCTCGGCTTTCGCCAGCTGAAGAGATTGCAACATTGCTGGATCAGAGTGTGCGCGGGACGCTC
TCCACCTTTTCCCGGAGCTTTGAAGGTTATCCGTCTGGATCTTTGTGCACTTTGCATGCGATGCTGATGGTAC
ACCTATACTTGCTGTGAGCAGTCTAGCAGAGCACGCTAAGAACTTGAAACTAATCCGAAATGCTCATTGCTT
GTGGCAAAGAACCCGAGGATAGGGGAACCTTATGTTGCTCACTCTTCATGGTGATGCTGTGGCTGTTTCTGAA
GAGGATAGACCTGCTGTTCTGCTGCATATTTGTCCAAGCATCAAATGCATTTTGGGTTGACTTTGGCGACTT
CAACTTTGTGTATATCAAACCAAGAGTGATACGATACGTGTCCGGGATTGCAACAGCTTCTTTGGGTTGAGGA
GAACTAAGCGGTGAAGAGTACATGGCAGCACAAAGTTGATCCAATAGCTCAATTTGCAAAGCCTGTTACGTCTC
ACATGAATAGAGATCATGCTGAAGATACAAAGAACATTGTGAGACACTGGACATCCATTCCGGTTGATTCTGC
CATCATGCTGGATTTGGATAGCCTTGTTTTAATGTTAAGGCTGATTATCGAGGGACTTCATTTAAGCTTCGTG
TGCTTTTCCAAAAGAGCAAAAATAGAAAAGATGTCAAGACTCTT

>trans_s_12352EU284119|Cucumis sativus TFIIIS domain-containing protein mRNA, complete cds

AACCCTATTTAATGGCATATTCGAAAATAATGTAAACTAAATTCTTTTTTTTAAAAAAAAAGAAAAAGAAA
AGCAAAACCTATTTTACCTTCTAGCCCCACGCCTGTTGCCGGCTCGTCACCCGCCTCCGCCGCCGCTCGTTAC
TGAATCTCGCCCCGACAAGTTGTCTCTAGGTAAACAGCAAACCGTTCATCGTTTCTCTTCATCAATGATCGA
TTGAGCTTGGTTGCCATAATTTGAATGGAATCGAAATTCTGATTTCCGACGGTTGGCTTTCGTCCGGTTCCAA
TTTCCGCGCGTTTAGATGAATATCCACACATTCTAGCGGTGCGTTCGGTCCATATTTTCAATTTGAAACCGGACC
GAACCTGTTGCGAGTCCTGCTCCTTGACCTTGAGTTAGGAAGCTATTGGGGAAGCAGCAAGGACCACTCATGG
CTTATTTCCCGTGGACACGACTTCTTGTTTTGCAATTTGTGTGGAACCATGTTGTCATTCTGCTCAACGAAATATG
TTGAGTGCCCTTTGTGCAAGTCTAAGCGAAGTGCAAAAGAGATCAACGGTAGAGAAATAAGTTACACAGTTA
CTGCTGAGGAAATTAGAAAGCAGTTGGGAATTTACTAATTGGTGAAGAGAAAATGCAGCTAGCAAAGGAAA
GGAGAAGATGTGAAAAATGTGGAATGATGAAGCTTGTTTGGAGAGCAGACAGATGAGATCGGCTGATGAA
GGGCAGACCACATTTTATACCTGCACTAAATGCCATCATCAGACTAGAGAGAATTGATCTTCCATGCAATTTT
TCTAGGATGTCAGTGTCTTCATCCTTGATTAGTTGGGTGGTTCCATTGGAATCCAAAAGCATAACATGATGAA
TTATGTTATTAACAATTAAGCTCGATCTTCATGGGATGATTACTCTATATGAGAATATGACGAAGTAGCAAA
ATTCGTCAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12353NM_118896|Arabidopsis thaliana pfkB-type carbohydrate kinase family protein
(AT4G27600) mRNA, complete cds

CAGCGTTAGCTAGTGTAATTAGCAAGACAAATGTACTTGTAGTTGAAGGGTATTTATTTGAACTGCCTGATAC
AATTAACACGATTCAAAAAGCATGCGAGGAAGCACACCGAAGCGGTGCTCTAGTTGCAGTCACAGCTTCAGA
CGTCTCCTGCATCGAAAGACATTTTGACGATTTTGGGAAATTGTTGGAACTTTGCGGATATTGTTTTGCAA

ACCATGAAGAAGCGGCAGCTCTATGTCATTTTGACTCCAAGGAAAGTTCTATATCAGCTGTAAGGTATCTGAG
TCATTTTGTCCGCTTGTCTCGGTCACGGATGGGCACAGAGGTTTCATACATAGGTGTCAAAGGAGAAGCAGTA
TATATCCCACCTTGTCATGCGTACCTCTCGACACTCGTGGCGCTGGAGATGCCTATGCGTCAGGTATTTTGTA
CGGTATTTTGCAGGGAGTCTCAGATTTGAAAGAAATGGGAACATTTGCAGCGAAAATTGCGGCCAGAGTGGT
CGGGCAACAGGGAACCTGTTTAAGGGTTCAAGATGCCATGGAGCTTGCAGATGCATTTTCTAGCTTTCAGTCT
GATATTGGCTCATCACATGTGTAGACTGTAGTGTGCAACTTGAACATCAAGCCATCTTCTTTTTTAATAAAGTTC
TCTTATCACACATATATATATATATATTACGTATCTAAATAAAAGTGGAGATGTGTGGAGATGTGCTTGTAAGA
GAGCCCTTGTTGCCTCGCATGTTAATAAATGTTTATATTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
GGCCGCTCGGCCCTCAAAAAATTATCAAAACCAACAACTCAAGGGCGCCCCGCCCCCAAAAGCTTACT
ATAACGAGCCACATTAAGGGGGGGCCCGGTACCCATTCTCCAATACGGGGCCGGAAAAACCCCGCCCACT
GCCCCGCTTTTACCATGCCGCGCCTGGCAAAACCGTGGGGTGACCC

>trans_s_12354NM_001051452|Oryza sativa Japonica Group Os01g0867900 (Os01g0867900)
mRNA, complete cds

ATTCTGATCCCGACGAGGATACTCCCAAGTCCCCTCCATCTTCTCCAGTTCATCCACTCGCAAGGCTTGCTATG
CTGTTCTCAAAGTTGGGTCTCAAAGAAGTTCATGACTGGATGTGTGGTTCTGTTTCTGTTGCCATTACATTCT
TCATCACATGGTGGTTTGTCCAGTTTGTGATAGCTTCTTCAGCCCGTTATATGCCAGGCTTGGCATAACATA
TTTGGTCTTGATTTGTTTCATCTTTGATATTTATATTTTTATTGGTCTATTTGCTTCATCATGGATGGGTGCCA
CTGTGTTTTGGCTAGGAGAGTGGTTTATAAAAAAGATGCCCTTTGTAAAGCACATTTATTAGCTTCAAAACAA
ATTAGTGCAGCTATTTCTCCAGACCAAAGTACCACAGCATTCAAGGAAGTGGCCATAATACGGCATCCAAGAA
TTGGTGAATATGCAATTGGCTTTATTACCTCATCCGTTGTTCTTCAGATCAACGGATATGAAGAGTTATGCAGT
GTTTATGTTCCACAAATCATCTTTACATCGGTGACGTTTTTCTTATAAAATCTGAAGACATCATACGACCAAAT
TTATCTATCCGAGAAGCCATAGAAATCATAGTTTCGGTAGGGATGACGATGCCGAGGAAATTTCTCCTGTTG
AAAGAAAAAGGATTCCACATCAAAATGATATGATCCCGTTCAATAGAATGGCTTCCATTTGAAAGGTTATACA
TCAAGCATTTACTAAGTAGTCTTACCTTGACATAACTTAAGTAGTTACTTTAGGACATCTTCACAACCCATTGT
CTGTACCGGCATATATGAATTTCCATACTTATACATGACCACGTATATAAAGTGAATATCTACTTGAAAAGGA
AGAACATTAACGTTGTAATGTTAAAAGGGGGAAATTGAGCTTCTAACCTGGTAAATAGTACAACTTTATTT
CAGCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12355AY104737|Zea mays PCO093291 mRNA sequence

ATTATGCCTGACCCAGGTTGCTGAGGATTCAGAAACAGAGGGCTACACATCTGCTGCCTTTCATCCTGATGGT
CTCATCCTTGAACAGGCACGTCAGAAGCCCTTGTTAAAATTTGGGATGTAAAAAGTCAGAAAAACGTGGCCA
AATTCGATGGACATGTTGGGGCAGTAACTGCAATATCTTTTCTGAAAATGGTTATTTCTTGCGACTGCAGCT
CATGATGGAGTAAAGCTGTGGGACCTTCGAAAATTGAAGAACTTCCGTACATTTGCACCATATGATTCAGACA
CTCCAACAACTCTGTGGACTTTGATCATAGTGGATCTTACCTCGCGATTGCTGGCTCAGACATAAGGGTTTAT
CAAGTTGCTAGTGTGAAATCTGAATGGAATTGCATCAAACTCTTCCAGATTTGTCTGGCACAGGGAAAGCAA
CTTGCTTAAATTTGGACCGGATGCAAAATACTTAGCCGTCGGGTCAATGGATCGGAATCTTCGAATTTTGGC
GTGCCTGGGGAGGATGGCGCCATGGAGACATGAGTTCGCATCCAGAATTTAAAAATCCTGAAAAGATGAATG
CAAGCTTCTGTTATATTCAGACGATTCTGAAGCAGAGGCCTCTTTTGAATGTTCCAAGCAAAGCGGAGAGTT
CTGTACGCCAAGATCAACAAGATGAGCTAAATATTTTACCATTCTTTTTCGTTATAGTTTGGACTAATTA
GGTTTGATTCTATTTCTATGAGTGCATGATTTTGCAGAGGTGTCTACTTTGCCATTTTCATGTAGCCATAGAAC
GATGGCCATAGAACTGTTAATATTCGCTGACATTTTCAATTAACGTTAAAGTTGCTTTTGGTAGTGAATGTAC
CTTAAAGTTTCTGCTTTCGTCACTTCCTGCCCAATGAAATATTGTGGGCTGTCTATTTATTATTATCATCATTAT
TTATTACTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12356X82938|L.esculentum mRNA for ubiquitin conjugating enzyme

CATAATTCTGTGAGACAGAAAGAAAGAAAGCAAGAAAGAAAGAAAGAGGGAGAGAGTGAAAGCGAAAGG
GTTTTCGCTTCTCCTATCTCCAACCTTACCATAGTTTTTCTTTGTATTCCTCTTCCTTCGTACGCATACTATTAGGG
TTCCTTCTCTTCTTCCCATTATCCGATCATCATCACTGACTCACCATCCACCAAGATGATAGACTTCGCTCGGGT
GCAAAAGGAGCTCCAAGAATGCACTAAAGACATTGAGGCTTCTGGTATTAGAGTCACCCCCAAATCCGATAGT
CTTCCCATTGCTCGGTACCATTCCTGGTCTATCTCTACTCCTTACGAAGGTGGCACTTCCAAATTGACATT
ACATTGCCAGATGGGTATCCATTGAGCCTCCCAAATGCAGTTTGCTACAAAAGTCTGGCACCCTAATATTAG
TAGTCAAAGTGTTGCAATTTGCCTGGACATTTTGAAGGATCAGTGGAGCCCCGCACTTACGTTGAAGACAGCC
CTGCTCTCTGTGCAGGCACTGTTGTCTGCTCCTCAACCTGATGATCCTCAAGATGCTGTCGTGGCACAACAGTA
TCTTAGAGACTACCAGACTTTTGTGGCACAGCTCGATATTGGACAGAACTTTTGCCAAGACGTCATCTCTTG
GGGTGGAAGAAAAGTTTCAAGAACTCATGGAGATGGGATTCCCCGAGGCTCAAGTAAGGAGCAGTTTGAA
GCTGTGGGTTGGGATGAAAATTTGGCTTCGAAAAACTCTGCTCCGGTTAGAGTCTCACTCCTCTGCCACCCG
CCAAACATAGGAGTACATATTTGATCCAAAGGGTCGTATCTATATTATAGCCCCTTTTTAATTTTTTTTTAAAA
TTTTAATTTATGTTTCTAGGAGCTATGTTCCATTTTAAAGCCCCCATCAATCCCCCTACCATTTCTTCTCACTG
ATATGGGCTCCAAATCTGGTCTTCTGGTTGAGTTTTGG

>trans_s_12357NM_001049120|Oryza sativa Japonica Group Os01g0248600 (Os01g0248600)
mRNA, complete cds

TAGGTTCTATTTTGGTTAATTCTCGAATGAACTTTGACTCTCAGCATCGTTTTCTTTTTCTCTGTCTCTCGC
ATTTGGTGTCCCACTCAGCTGCCGTCGCCGTCGACTCCTACTACCACGGTTGAAGCTTTTGTTGAAATGGCTGG
TCAATCAGATCCTCAGCTGAACCTATTTTCTGCAGAAGAGGTGAGTTTGTTGCTGAAGATGAAATGTTGGAG
ATTGTTCTAATATGAGAATGGATTCTCTGCATTTGATCTGTGGGGATTATGGTCCATTCTATCCCCAAATAGC
AACTGAAGTTCCGTTGTGGCTAGCGATTGCTCTGAAAAAAGAGGGAAATGTGCAACTAGGACTCCAGAGTG
GATGTCAGTGGAAGATTGACGCAATTTTGGAGGCAGAACGAGATTCTCAAGGATCTTCCAGATATTACCC
TTCCATTACGTGGAATATCAAAGCTTCTTTTGACCATGCACGAGATGACTTTCCTGACATGTATTTGGTGAG
GTCTCTTATTGAAGATATCAGGGATGTTAGGTTTCACAAAGTTGAAACCAGCTTGGAGTCAATTGATACACGC
ACATCTGCAGTGAAGATTAAAGATCTATCTGCCATGGAAGTGAATATAGTTGACCGTTTCTGTTAGAGCAC
TTCAAGCAATTTACAAGCATGGAAATCCAGAATTGGTCCAGATCAAGATAGGATAACCAATATACAGACACA
AGGACACGAGCATGGACAAAGACGACCTCTTCAAGACGGTAGAGTTGAGTTGATCTTAACAGATACAATC
TGATTTTGCTCAGCAGTGCTAAACGAAAGCCAGGATGGATTCTTCTTCAATATCAATTAAGGTTTCGCTTTTT
CTTTCTTATTTTAGTTAACTCTCTTCTAGATCCTTCTTTATTACTAGAAGTGTAGAGATATAGTGCTAATGGT
AGATTTATTAGCATAATAGGCGTACATTGGTCCATGTAGTG

>trans_s_12358Novel Gene

TTATGCAGTTATAACAAAGATTTTAATCTCTTTCCTACCTTTATCGTAAAATCATCATCTCTAACATTCTTGAATA
TTTCTCTTAATCTTTGTGTTTAGCCATTAGAGACGATATTTGTAAGAAGAAATTATAAAAACATATCCAAAAAG
TTGTGTAAAATAGGGAAGGACTATCGTGACTTTCACGTTCTTAGTATGATGAAATGATTCAAAGTGTTCACAA
CAAGAACATGGAAGACAAGATGAGAAACAACAAGAAAACACCTATCCACTCGATGGGTAAACACCAAAAAACA
TCCCTACCTCTCCTGTTGCATTAACCCCTTACCTTTCTTATCAACAATACGCACTCTCAATAACTGCTTCATGTC
TCAATTGCCTTTAGTAGCTTTGAAGGGTCGGTTTTACGCTTCCTCTTGTAAGTATGATGAATGGAAGGTCTCAC
AGACCGATAGGAAAAGACTATAAACCTACCTTGCAAGATGTAGGATGGTATAAAAGTCCTTGTCATGTGTACTA
TCGCATAGGAAAGGAGGAATAATAAGTTTTAGTCTTATATGCGTTAACTATCTAGTTTTTCGGGCTTAACTT
CAAGATCCAGCTTAAGTATTTTGAAGTCTAGAGAATCCAGGTATACTCTAGCTTTCTCCCATCAATTGTGAAGA
TGATCTTTCCACCTAGCCATGTCGCTAGGTGCAACCTTCAATGATAGCGTGAAGTATGTTTAACCTTCAAGAA

>trans_s_12359AB490002|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitCaEFh mRNA for calcium-binding EF-hand protein, complete cds

>trans_s_12360XM_002876338|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata VQ motif-containing protein, mRNA

>trans_s_12361M80571|Cucumis sativus glycerol-3-phosphate acyltransferase precursor, mRNA, complete cds

AGGAGGGGGTGGGTCACTAATATGGATTGCGCCAGCGGTGGCCGGGACCGACCGGATTCATCCACTG
GAGAATGGTACCCAATCAAAGTAGTTCGTA CTACTGATATGAGAGGATCAGGCACCCTTTGATGCTTCTTCAGTGG
ACAACATGAGAAGGCTCGTTCAACTCCGAGTTCCTGGTCATTGTGTCCCCTTGCTTTATTATGTTACGAC
ATCATGCCGCCTCCTTCACAGGTAGAAATCGAAATTGGAGAAAAAGAGTCATTTCTTTAACGGGGCGGGTT

TGTCAGTGGGCCTTGAAATCAGCTTCGATGAAATTGCTGCTATCTGTGAAAATCCTGATGAGGTCAGGGAGGC
ATACTCAAAGGCACTGTATGATTCTGTGGCCAAGCAATACAATGTTCTTAAAGCTGCTATTGACGGCAAACAA
GGACTAGAAGCATCAACTGCGGATATCTCGTTGTCACAACCTTGGATCTAGTCATTTGGAATCATTTTCACGTT
CAATTCGTTTCATAATCAGGTCAGGACATAATTTGACAGTTTCGCAACTCACAGGACGCCACTGATCATTCAAT
TCGTGCATGAACTGTAAAAGGAAACCGATTCTTTCACTCATCGACATCTCAAGGGTTTTTTTCCAATTTACAGG
CCTATCTCCTACCCCAAGCATGTGCATTTCAATAGACATCAAACTGCCTCAAATACTTGACCTCTCTTCGTAAT
GTACAGATCTTGCATGTCTCTTAGAAAAAGGACACTCATAGTGGTCATTCGTACTATTTCTAAAGTGTATATGT
TTCCTTATCATTTTAATGTTTATATGCTTCATGAATAGTTTGCTCAATTTGTACCAAGTCTTCCCTTTCCTTGATA
CCTTTTGATATAGAACAATAATTTTACTCAGATTCTTATCCTGGATTGTGGTAGAAAATTGTTCTTTTGTCTTT
CTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12362XM_002863082|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata universal stress protein family
protein, mRNA

ACCGAATCAGAAGGAAATGGCGGATTGTGTTGATTCTAAGAATAGGCAGACATGGCAGAGGTGGAGGCCA
AGCTTTGTGTAATGGAAAGGGAAAAAGAAAGGTCGAATTTGTTAATATAGTTAGAGTTTTGAAACCAACTAAA
ACCAAAATGACCACCTCATATTGCTTTCTCCTTCTCACTTTTGATTTTGCTTTTCCTTACATTCATCAACATCAAT
ATCAACAACATCTTGATCCAATTCTCTTTTCTCTTCTGGGTTACCGGCGTCGGCGGCTGCTGTTTCTGTTGAT
GGTAGCATCGCCGGTCGGAACCCATGGGAGGAGGGCGGGCGTCGACGGCACCTTCTAGAAAGGTTATGGTG
GTAGTAGATCCTACCCGAGAGTCCGCCGCTGCACTCCAATATGCTATTTACATGCTGTTATGGATAATGATCA
GGTAATTCTCCTTCATGTTGATAACCCCTAATTCTGGAGGAACGCTATTTCTACGTTCTTAAGAGACCTAATGG
TGGTGGATCTACTAATAGTAATAATAATAATGTTTCATGCTGCTGCTACTGCCACTGCCGCTTCCGACGGTG
GACAAGGAGGAGGAGCTACGGCGGATGTGGATTTTCTTGAGGAGATGAAGAAGGCCTGTAAGGTTGCTCAT
CCGAAAGTGAAAGTGGGGACGCTGAGAGTTGAATTGGAAGGCAAAGACAAAGCCTCTATGATTATGGCTCA
AACCAAATCTCTCGGTGTCGATCTGCTAGTCATAGGGCAGAGGCGAAGTCTCTCCACAGCTATCTTAGGATAT
AGAAGGACAGGAGGGGCAATGAAAGGGGCAAAAATGTTGGACACAGCAGAGTATTTGATTGAGAACAGCA
AATGCACTTGTGTTGCTGTACAAAAGAAGGGTCAAAATGCAGGCTATCTTTTAAACACCAAAACCCACAGAAA
CTTCTGGCTTTTGGCTTGATATCTCTACTCTCTCCACCATTTCCCA

>trans_s_12363XM_002867004|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding 2 (ATGB2), mRNA

TTCAATCATCATCCTCTTCCATTGCATAATTTACATTGCATCTCCATCTTTTCTCTCTTCTTCATTTCTCTTCTCG
GTTTGTAGTGATGTCGTACGATTATCTGTTCAAGTACATCATCATCGGCGATACAGGTGTCGGCAAATCTTGCT
TGCTTTTGAGTTACGGACAAGAGGTTTCAGCCTGTTACGATCTCACTATTGGCGTTGAGTTTGGTGCTCGT
ATGGTCACCATCGATGGCCGACCTATTAAGCTTCAGATATGGGATACTGCTGGGCAAGAATCATTGAGATCAA
TTACAAGATCTTACTACAGAGGGGCGAGCTGGTGCTCTTTAGTATATGACATTACCAGGAGGGGAAACTTTCAA
TCACTTGGCAAGCTGGTTGGAAGATGCTCGGCAGCATGCAAATCCCAACATGTCGATTATGCTTGTAGGGAAC
AAGGCTGATCTCGCTCATCGAAGAGCTGTAAGCAAGGAAGAGGGAGAACAAATTTGCGAAAGAAAATGGACT
CTTATTCTTAGAGGCATCTGCTAGAACAGCCCAAATGTTGAGGAGGCATTTATAAAACTGCAGCTAAAATA
CTTCAAAATATTCAAGAAGGCGTCTTTGATGTATCCAATGAGTCATCTGGGATCAAGGTCGGTTATGGGCGTC
CTCAAGGGCCATCTGGGGCGAGAGATGGAGCAGTTGCACAGAGAGGTGGATGCTGTGGCTAATTGTAACAC
CAAAAGAAAGTAACGTGTATATGATGAAGAACCATTTTGTGCAAGTTGTTTTACTCTTGTGCAACCCACCATGA
TTAAGTTTCTTGTGTATCCTTCTCTATAAGCATTAGAATGTACAATGTACAGTGTCTTGATAACCTCAGAAGT
CTATTTCCCAAATAATTCTTTTCTACTCTGACTCCCAAAGCAATTAGTTTGTACATTTGATTAGATCTTTGTTC
ATCCCTTTGTTCCCATCCTTAGATCACGCTTGATAAC

>trans_s_12364NM_203179|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein (AT5G48655) mRNA, complete cds

ATTCTCGTCTCAATCTCAATCTTTTTCTTAATTTCTCCCTTTATAATGCCGACTTTTCCTTCTCTTCCCTTCCATT
TCTCAACCCTTAGAATCCTGACTACAAATATCACAAACCTAGAAGAACTAATCATATAATCAAATCTAATCTAT
CTAACCCCTCAAATTTGGTAGATATTTTTCAACCGCTTATTCAGGTTGCTGAGGAGCTTGAAGATATAGATG
AGTACTCAGGCTATGAGGGGACATACCACAAGAGGTTATCATCGTAGGAAATCATTGGACTTGGACCTGAAC
AGCATGCCACCAACTGAGAACCGAGATCAAGGAGAAACATCTCAACTGCGGCTTCAGGATGCACAGGTTAAT
CAACAACAGCCTGTACAGCCTGCAATGATCGACATTGAGGCCATTGATGACGATGTCATTGAATCATCCGCCA
GAGCTTTTGCTGAAGCTAAAAATAAATCCAGACGAAATGCTAGGAAGAATGTAGTTGACGTGGATGCAGAAG
AGCGGAGCAGGGTGTCAAATAATAACCGGAGCAAGCGTAGGAGAGATGTGTCTAACAGACCGTCTGTAAATT
CAGATTTATTAATCAATTTGGAAGCGAGCAACAGTTCTATGAAAGTGAAGCCTGCTCCACCGAAAGAGCCCAA
ATTGAGTTGTCCAATATGCATGGGTCCGTTAGTAGAAGAAACATCAACAAAGTGTTGTCATATTTTCTGTAA
GCATGCATCAGGGCTGCAATAGGCGTCCAGAGTAAATGCCAACATGTAGGAAGAGAGTAAGTCCCAAAGAA
CTGATTAGAGTATTCCTTCTGGGACAAGCTTGAGTGAGGCTTACGTCTCACACCGGGATTTTTTTAAGACT
TCGAAAGGGAACGGCAGAAAGTTTCTTTGTAGTAAGAAAAAAGCTAATTTTGTAGATGGAAAAATTCAGTGTA
TTCTGCTGATTTGCTGCATTTTGATGATCTCAGAGTTGCATT

>trans_s_12365NM_001049216|Oryza sativa Japonica Group Os01g0266800 (Os01g0266800)
mRNA, complete cds

AGGACTAATGTTGGATGTTGTGATACTAAAAGGTGGAAGAGGAGAAAACGCCGTTGAAAGGGAACAAAGGG
GTTGGGTATGCGGGAATTCCAATTCCGAAAGCTTCGCCGAAGCCAACTCCTCGCCGGAATTCTACTACACGT
CAGCTCGATCCTTGCCGGAAGCGACACGCCGCCGTTTCGAGCGTTTCTACGCCTGCCGAAAAGTGGGCCCTC
CGCTCTCGGTAATGACAGCTCATCTTCCGATGAGGAATCTGACACAGCCGCCGCTTCTCCCATTCGGCTGTCA
CCCAGCCTCGCCCCATTCTCGATCGGTTGGTTATGGAACATTTTGTAGCAGCATCAGCAAACCTGCCATTCCAA
AGTAAGGGCTTCTCAGATGGATTTAGTGGAAGGAACTTTACAAGAACATTCAAGTCATAGTGGTTTTGGCC
AATTGTTGGGTTGGCTCATGGCTGCCATTTACATGGGTGGTCGACTCCCTCAAATTTGGTTAAATATCAAAAGA
GGAAGTGTGGAGGGGCTGAATCCTCTCATGTTTGTGTTTGCCTTGATTGCTAATGCCACTTATGTAGCAAGCA
TTGTAGTGAGAAGTACAGAATGGGAGAACATCAAAGCGAACATGCCATGGCTGCTTGATGCTGTTGTTTGTGT
CCTCCTCGACTTATTTATAATTTCTTCAGTACATATATTATTACAGAAGATTTAGAAGGAAGAGACAAAGTGGAG
GAAGAGATCAGTTCAAAGATTATGAAGAAGCAACAAAACATGCAATAACCTTATGACCTATTTAATTAATTAA
ACAAACCCCTTTTTATTATTCTTCTTAATTGCTTTTGCATGCCTTCCATTAATTAGAGATGTAAAAAAAATGAGA
TCCTTTTAGCCTTCTTACTAAGTGTGATTCAAGTGGAGATCAGATCCAAGTGCTCAAACCTTTTGCAGCCAATGC
AATGAGTTTTCAATGAGTGCGTAGTTGAATAGTATTCTTT

>trans_s_12366BT028985|Arabidopsis thaliana At4g37180 mRNA, complete cds

AAGGCAGAATCTCCGCGTCTTATTCCTTCATTTTCTTTGTTTCTTCTTTCACACTCTTCTCTTCAAACCCTTAA
AATTCCTTTCTATATTCCTATGTTCTTTTCATCTATTTCTTCACCTTCTACCTAATTTCTGATTATCCCCATCTGG
GTTCTCTCAATTTATCCCCAAATGCCTTCTTTCTCTCCCAACACCATCTCTCACTTTCTCCATCAGATTTCTT
CTCTTTCCAATCCCTCAGACAGGGCCTCTACACTCCATTCTCTTATCACCAACTTGGAGGATGAAATGAAGAAG
ATCGATGCCTTCAAGCGCGAGCTTCCCTTATGTATGCTTCTATTGAACGATGCTATCCTTGCTTTGAAAGACACT
TCACTGCAATGTGCTTCTTCTTGTCTTCTCCAAAACGTAAGCCAGTTTTGGAGGAATTCATGTCAATTGAACAA
GATTCTTCCGATGAGAATGAGAAGGAAGAGGATTGTAGAGATAAGAAGGAATGGATGAGCTCTGTTCAAGTTA
TGGAAGACGGATGACTTGCAAAATACTCAAATCAAAACCAAGAGGAATGAGGGGTGGGGTTATGTAGCTGCT
GCAGAGGATCGGATTCATCGAAAGAAGAATGAAGAGGGATTATTTGTTGGGTTCAAGCCATCTTCTTCTGCTT

TTCCAGCCTTGGCTGCTGTGAAGAAGGAAGAGAAGATTGAATCTCCCATTTGTGCACTTTCTTTAGTCACTCCC
AACTTGAAGACTACTAGAGAAGAGTCGGTTTCCTGTGTTTTGCGGTCAAGTGGCAACCGAGCAACTTCTACTT
CTGCTGCTGATATTCAATCGAATCTACGGACGGCCGTGCCACCCCAACAGCAGCCTGCCCGAAAGCAGAGGA
GATGCTGGTCGCCAGAGTTGCATCGGCGTTTGAGAATGCCTTGCACTTGGAGGTTTACAAGTTGCAA
CACCGAAGCAAATAAGAGAGTTGATGCANGT

>trans_s_12367BT024496|Arabidopsis thaliana At2g19385 mRNA, complete cds

AGACCAAACCTCGTCTCCGCTTCCCGCTGTCTGTCTCTCAAAGATCACAATCTGCCGTTGTTACTACGAGTTTGGT
TGCGTAGAGATGGTGTGGTTTTAGTGCAGGATTGCGGCGACAACCTCAAGAAACCCAAGCTGCCAAATCAC
TTCAGAACTTGTTCCGCTACCAAGTTGTCTTGCATCGATTGTGGACAAACCTTTGGGCAGGAAAGCGTACAAG
GCCATACTCAATGTATCACAGAAGCGGAAAAATATGGTCCCAAGGGGCAAGGTGCAGCCATGAGTGTACCA
CCCCAAGTCCAACAAGGATTCGAAACAGCAACCTGATTTTGATATCCTCGTTGGATTGTCTGAGCGACCTCCC
TGGTTTTGCAGTCTTTGCAATACCAAGGCAACTAGTAAACAGACTTTGCTGCTTCATGCAGAAGGAAAGAAGC
ACAAAGCAAAAGCCCGTGGGTTTTATGCTGCAAAAAAACAATCTAATCAGACAGAGGAACTGTTCCAGAT
CAAAAGCCTACTGCTGTTGACACTCCCAAATGCGAAGGTGCTGAAAATGGACATGTTGGGGCCGAAAAATCT
CAAGATCAGCTTGAAGCCAAAAGTGAACCTTGGAAGTTGGAAGAAGAAAATGGTGCTTCACACACGAAGAAA
AAGAGGAAACGAGATGCTGTGGATGGTGCTTCAACAGAAAAGACTAGAGATGATGATCCAAGTAGAGGTAA
TGGGGGAGGTTATTCAGGCAACCAAAGCTGAGATTGAGCCAATAAAGGATGAGGCCATAGCATCCAAACCTC
TGAAAGAAGATTGAAAATGAAGATTAAGTGGAAGAAAGCTGATAACGTCAATTTTGAAATCTAACCTGACG
GTGTTCTTAAGTTGTCAAACTAAGAAAACCTTACCTGAAGTCTATTCGTGAATCCGGTGTTACAGAAGATGA
ACCCAAACTATTGAGATGCTCGAGCTAAAGATCAATTCAAGTTCAAAATTT

>trans_s_12368NM_113670|Arabidopsis thaliana glycosyl transferase family 17 protein
(AT3G27540) mRNA, complete cds

CATATCAAAGATTGGCTCTAGATCAGCTTCTTAGGATTGCTGGGATACAGGATGATGACTTGTTGATCATGTCT
GATGTGCGACGAGATCCCAAGCGCTCACACTATAAACCTCTTGAGGTGGTGCGATGATGTTCCACCAATACTCC
ACCTTCGATTAAGGAACTACCTTTACTCCTTTGAGTTTTATGCAGATGACAACAGTTGGAGAGCTTCTGTCCAT
CAATACAAGCATGGTAAACACGGTATGCTCATTATCGTCAATCCGATGTAATCTTATCGGATTCAGGGTGGC
ATTGTAGCCTTTGCTTCCGACATATCAGCGAGTTCATATTCAAGATGAAAGCGTACAGCCATTATGACAGAGTC
AGATTTTCTCATTACTTGAACCCTGACAGAATTAGGATATAATATGCAAAGGAGCAGACCTATTCGACATGCT
TCCAGAAGAATACACGTTTCGGGAGATAATTGGGAAGATGGGACCAATCCCCAGTCTTACTCAGCCGTTTCAT
CTCCCTTCGTTCTGCTAAACAACGCTGAGAAGTATAAATACTTGTTACCAGGTAAGTGCAGAAGAGAAAGTG
GCTAAATTATGAAAAAGAACAAGATAGAAATGAAATGGCTTTGTAAATGTTGAACATAAAGAGATCCCTATTC
TGGAGGTTAAAGGTTTGTGTCCAATGAAGTTGAGGCTGAAATGATGGGAACTGAGGGCGGAGACAAAACCT
CATATTTGTTGCAGCTGAGGAACCTGATTGTAATTGCTATTGGCTTTCTTCAAAGTTGAATCAAATTTCCCAAGC
TTCTCTTACAGGCATTGTTTAGGTAACACTGTAATTTCCACCATCTCTTGTATTGATCTTAGAACATTTGTCACA
GTACTCATTTATTCTTTTCCATAGTTTTTGTGTCGATGAAAAGAAAAGTTAATGTTCTTAGATATCTTCTTTCT
CCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12369AY372538|Cucumis sativus pyridine nucleotide-disulphide oxidoreductase mRNA,
partial cds

CGTGTCTATTGGATTCTACCAAAGGTCTCCAGATGATGGCGGCCGAGGACAAGAAGAGAGTGGTGGTTGTAG
GTGGAGGAATTGGCGGCGCATTTGTTGCTTATTCTTCAATTTATCGCCGATGTCGTTCTAATCCATCAGAAA
GAGTATTTGAGATCTCATGGGCAGGCTTGAGGTCAATGGTGGAGCCATCATTTGCTGAAAGATCTGTGATTA

ATCATACAGAATACCTTCCCAATGCAAGAATTATTGCATCTTCAGCCACAAGTATTACAGACAAGGAAGTTTTCTGTGCAGATGGCTCTTCAGTTCCTTACGATTATCTTGTTGTTGCCACCGGTCACAAGTGAAAACATTCCAAAAAGTAGAACTGAAAGGCTCAGTCAATACCAACCAGAATGTGACAAGATAAAATCTGCCGATACGATTTTAATAATTGGAGGAGGCCCTACTGGTGTGAACTTGCAGCTGAAATTGCGGTTGATCTTCCCGAGAAAAATGTGAAATTAATACACCGAGGGCCGAGATTAATGGAATCTTGTGCGGGGCTAAGGCTTCTCAAAAAGCACTGGATTGGTTAACATCAAAGAAAGTTGAAGTGATCCTCCAACAATCTATTTCAATGCAATCTTTATCAGAGGGAGTATATCAAACCTCACGTGGCGAGACTATTGCAGCCGATTGCCACTTTATGTGCACCGGANAACCAATTGGATCTCAGTGGCTGAAAGAGACCATCTTGGCAAAAAGCTTGGACATCCATGGAAGACTGATGGTCGACAAGCACCTGAGAGTCAGGGTTTTAAGAATGTCTTTGCAGGGGGAGATATCACAGACCTTCATGAGATCATATAGGGTTATTTAGCACAAAGACATGCCCATGTAACCTCCGAGAACCTGAAACTGATGCTTGAGGAGCAAATGAAAGCAAGATAGCTACGTGCAGACCGGAACGCAGGTGCGAATCGTTTCTCTCGGAAGGAAAGAA

>trans_s_12370NM_113162|Arabidopsis thaliana PBD1 (20S PROTEASOME BETA SUBUNIT D1);
peptidase/ threonine-type endopeptidase (PBD1) mRNA, complete cds

TTCTTCAAATCGTTGTAAAGCATAATTGTAGAAGGGGAACTACCGAATTTACAGAGGCTTTCAAAACCCAGATCGATTTCAAGAAGAACGACAACAACAAGATATGGAGAGCGTATTTGGACTTGTTGGCAATGGATTCTCATCGTGGCCGCCGACACATCGGCGGTGCACAGTATTTGGTTCATAAGTCCAACGAGGACAAGATCATGGTCCTCGATTCTCACAAGCTCGTCGCAGCGAGCGGCGAACCTGGCGATAGGGTTCAGTTCACGGAGTATATCCAGAAGAATGTGGCTTTGTATCAGTTTCGAAATGGTATCCCTTAACCACTGCTGCTGCTGCTAACTTCACTCGCGGTGAACCTCGCTACCGCCTTACGGAAGAATCCATATCCGTGAACGTTCTTCTGGCGGGATATGACAAGGAGACGGCCATCCCTCTATTACATTGACTATATTGCCACCCTTACAAGGTTGAAAAGGGAGCTTTTGGTTATGGATCTTACTTTTCACTCGCCATGATGGACAGACACTACCACAGTGGCATGACAGAAGAAGAAGCCATTGATCTGGTTGACAAATGCATACTAGAGATCAGGTCCAGGCTTGTTGTGGCTCCACCGAATTTGTTATCAAAATTGTAGACAAGAATGGAGCTAGGGAGGTTGCTTGGCGCGAATCCATCAAGGACGGAGTTAGTGTTCTTTCAGCTTAAGATTAAATGTTATATCAGCAGAGGCTTGCTTTTTTTTTTTCTGTCTTCTTAACCTTGTATGGGTGACAAGCTGGGTGTATTTTACCCTCGTAGGCACCCTAGTTTCAGACATTTTGATAGAGTAATGTTGGGGTTACGTCTCTTATTCCTGATACATGAACAGATGAACACATTTTGAACCTATTGATTGATTTATGTACTGAAGTTCAAAGGTCTACTTATGGATAGATTCTTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12371XM_002306471|Populus trichocarpa porin/voltage-dependent anion-selective
channel protein, mRNA

CCATCACTCTAAATTTCTTTATGCTTTAAATACTTCACATTTCCCCATTTCTTTTCTCTCTCCCCAATTCTCCGGCGGATCTTCTTCTCTCTCTCTCGTTTCTCTCTGCAATTCCGATCCCCAAGATGAGCAAGGGACCCGGCCTTTCTCCGACATCGGCAAGAAAGCTAAAGATCTTCTGACCAGGGACTACATCTCCGATCAGAAATTCTCCGTCTCTACTTACAGCCATGCTGGAGTGGTCCTTACCTCAACCGCAGTGAAGAAAGGGGGACTATCAACTGGGGATATTGCAGCACTGTATAAGTACAAGAATGTTACATTTGATGTTAAAGTTGATACAGAATCAAATATATCTACCATCGTCACTTTAAATGAAATAGTTCCATCCACAAAGACTATTGCTTCAGTCAAGATCCCCGATTCTAACTCTGGCAAGTTGGAGGTTCAATATTTCCATGATCACGCAACCCTTGCTACTGCAGTTGCCTTGAATCAAATCCCTTTGTCGATGTTTCAGCCACCATTTGGTACTCCAACCATTTGCCTTCGGTGCAGAAGCAGGCTACGACACCACTTCTGGTAACTTCAAAAGTACGCTGCTGGCATTAGCGTGACAAAACCTGACTCATCTGCATCAATAATCTTAGGTGACAAGGGAGACTCAATAAGAGCTTCTACGTGCACTATTTGGATCAATTCAAGAGGAGTGCTGCTGTGGGAGAGATCACCCGAAAATTCTCCACAAACGAGAACAACCTTTCACAGTAAGCGGGTCGTATGCCGTTGATCATCTGACAGTGGTGAAGGGGAAGCTGAACAACAATGGGAAGCTTGGGGCACTTCTACAACATGAAATTATTCGAAATCTTTGTTGGCGA

TCTCGGGCGAGATCGACACAAAGGCATTGGACAGAGTTCCCAAGTTTGGTTTGTCTGTTGCCCTCAAGCCATA
ATTATTTCAAAGGTTTTCTTTGAGAAAGGGACTAA

>trans_s_12372HQ010041|Corylus heterophylla COR413-PM1 mRNA, complete cds

AATCCATTTCTTTATTTATATATTTAACACACAAAATCCTATCTGTCTTTCAGTGCTCTGCTTCGAAACTTTCGCT
TCTTCTTCTTCTTCTTCGAGATCGGAGATGGTGAAACCCAACCACTTGAAAATGGTGACGGATTCTGACGCTGC
CGATCTGATTTCTCTGATCTCCGAGAACTTGGTAACGCTGCTAGAAAGCTTGCTACACACGCTGTTAAGCTCG
GTGCTTCGGGTTTTACTGCTTCTTTTCTCCAATGGATTGCTTCCTTTGCTGCTATTTACTTGTTGATTTTGGATCG
GACGAACTGGAAGACGAATATCCTTACTTCATTGTTGATTCCGTACATTTTCTTAGTCTTCCCGGTTTGATTTT
CGGTTTTCTCAGGGGAGAGTTTGAAAATGGGTTGCCGTTATTGCTGTTGTGCTCCGTCTTCTTCCCGCGAC
GATTTCCAGATTGGCTTGAAGTGCCTGGAGCTTTGATACTTCTCATTGTGGTGGCTCCAAGTTTATTTGCCTCCA
CCATACGAAACGACGCCATCGGAGAAGCAATCTGTCTGATCATATCATGCTATTTACTGCAAGAACACATCAG
AGCCTCTGGTGGATTGAGAACTCATTACAAAAGCGAATGGCATCTCAAACACCATCGGCATCATCTTCTCT
TCGTTTTCCCTGTCTGGGCGTTGGTACTCCGTGTTCTTTGATTGGTTTTCTTTTTTCAAATGCAATTATGGATT
ATTGATACTTTGTATTGTTTGGGAATGTGGGCTGTGAGATTTGTGTCTTAACCTTTTTTTTTCTCTTCAAATTG
GTTGTTTGATTGTCTTAATATAGGGGCTGTATCAGTGTAAGTTAGATGATGAGTCTCTCACAACGATTTGTG
TATCATTTCTTTGTGGGACAAAAGTGAGATAATATATGTTATATTGATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12373NM_125839|Arabidopsis thaliana octicosapeptide/Phox/Bem1p (PB1) domain-
containing protein (AT5G64430) mRNA, complete cds

GATGTTACCTTTAAGTATCAGCTCCCTGGTGAGGATCTTGATGCCTTGATTCGGTTACCAACGATGATGATCT
CGAGCATATGATGCACGAGTACGATCGTCTTTATCGTGCTCCTGGAAGACCCGCTAGGATGCGCCTTTTTTGT
TTCCGGCTAATCAGAGCCCTAGCTTTGGGTCTGATGGAGGTAGGTCCGATCGGGATCGATTTGTGGAGGTTTT
GACTTCTGCTTCTGCTCATCCTGGTGATGCGCCTAAACAATCTGTTCCCAATAAGGTGGATTTTCTGTTTGGTTT
GGATAAACTGGAATCGCGCCTCCTCCTCCACCGCCTGTGGCGATTAACTGCACGATCCGTTACCTGAGCCT
GTTGCTCAGCCGATCGAGCCTGTTGCTAGACCTTTCCCGGGAGATCGGATCGCTATATCGGATCCTGTGGTTC
ATCCTGGTGAGATTCATCGTCAATTGCAGGAGTTACAGAGGTTGCATATTAGCGAACAGGAGCAAGCTGCGG
CGTATCAGAGAAAATCTGAAGAGAATAATCTTATTGGAGGCTACGGCGGTGAGTACTACACGCAAAAGCCGA
TGGAGAAGACTCCACAGCCAAACGCGCCGCCATCGTTGCAACCACCGGCTGGTTACTGGCAGGAGAAGCAGG
TTTCCAGCGGAGGTTTTCCGGCGACGATGACTGCCACACCTGGTGGACCGGACCAACCGCCGTTTACATGAT
CCATCATCCCGGTGCTGTCTATCACTCGCCTCAACATCCGATGGTGAGACCGGTAACCCCGCCGCTAATCAAG
GCTACTACGCAGTACAACGTATGGCCTCAGATGTGTACCGTGAACAACCGGTCTACAATGTTGTACAACCTCC
ACAACAGCCGTATCCAGCCACTTCATCTCCAGGTCTGCCTCAACAACCTCAAAGGTCACCGCCTATCCCGGCG
GCGGTATGACTCTAGCAGCATATTCAAGGCCACCCACTTACA

>trans_s_12374AY128395|Arabidopsis thaliana GTP-binding protein obg-like (At5g18570) mRNA,
complete cds

ATAGTTATACTTCATACGCCACGTGTATCACTTCCATTTCCGATCATATCTAGGCAACTGTCTGGTTGTATGTTT
TCGGTAACAGAGACTGGAAAACTAAGAAGCCTAAAAAACTAATTTACCTAATGATTATAAATAGTTGATAGC
ATGATAAAATCAAAATAAAAAAAAAAATAAACTAGAACAAATACTGGAATTCTATCACGTCCACACTGCAATTA
GTTCTCTCTAATATAATTCCTCACGATTCTACTTCAATGAGTGGGGTTCTCGATATTTAGATAAGAAAACTTGAG
CAGACGACAAATATTTTGCTTTATTTTCTTCAGATGGAGATGATTTGGCACGACTACCAAATAGTTCTGGTC
CATCTAATATGAAGAAAAGATCGGATTCTGTCAAATGGCCAGAGTGGAAGTAACTCATGATTGTTTGCTCACT

TGGTAACTTCATGCTAATAACAGCAGCAAAGTTGTAATGGTGCTGTCTGTTTTCTATGGTCACAAATGTCTTT
AAAACGCCCAATACGACGGTTAAAAAGCTTCGACCTTCATTCCCTTTGCTGAATGGTGGGAAGAATGAATTTT
CTTAGTGGATCAGATGAACAGCCTTGACATCCTGGAGATCCGAATGAAGAAGGCATCATTTGTGATGAAGG
TAACTTTTGCACCCATCTCTCAAATGCTTAAATGAGATGAATTGAGTTCGAATTTTCTGTGAACGTTGTGATAA
AGTCGATCACAGATTGTGAATAGAAGCACAAAGACTGCATATAATTGATCTCTAATTAGAATGTTATGTAATT
TAATATTCTTTTGAAGAACAAAGCTGTTGCAAATACAAGGTTTTAGGCTGTTCTCTGTAATAAAGTGGTGGTGA
GATTATTTAGAGTGCAACTATCCTTGTTCTGTGTAATATATATGTAGTAATACTAATAACTATTAACCGTTTT
CTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12375XM_002889654|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T27G7.21, mRNA

ACCTTCACATCCTCTCGGCTATGCCCAATCTTCCGATCTCGGAGATTGCTGTACAGAGAAACAACGGCGGAAA
CAATGTTTACAGCTTTGGAAATAACACCACCGTGTCCGGCGGCGAAGCTTAATGTCGTTTCGAGCACTTCCAAG
TGAATTTAAATTCTACCGACTACCTTACAATCTCGGCCTCCCTAACCGTCGACTTTCTTTGCTTTCGATACGAGC
ACAATCGCTATCTGATCCTTCGACTTCATCGCGTTATACGGACACTATTGGAACTCCTCTCCAGCATTTCTTCA
ATTCCCTCAGTGCACGCTAACTCAACGCCACATCCTTGTTCTCAATGTCGTTGCCCCGCGCGACGGCTATTTCTGC
AACCTGGCTCTTTTGTCTGCGATCCCCACTCTTCTGGCATTCAAGAGAGCAGCCGAATCATTAGAGAACTCA
TGGATGTCACGAGGGAGGAACCTCCAGGAATATGGCAGCCATTCGGTTATCTGGCATGGAAATCAGTGATT
TGACCATGGAACCTCAGTGATCTTGGCCAGGATATCACCCAAGGTGTGAGAAGTTCCACTAGAGCTGTTGAGT
AGCTGAAGAGAGATTACGCCGCTTGACAAACATGTCTCCAACAGTGCAGGAAATGACAATAACCAATCTGGG
AGTGAAGGGAGCAGATCCAGTTCTGGCTAAAAGGGCAAGAGACATTAAGGAAGGGATTGTGAAAGGACGTT
CCATCTTCCAATTATTTCTTTCCATTACAAGATTCTCTCGGCTGGCCTTGAATTATTTAGCAAACGAGGTAAGA
AGTAGAGTAGTTCGAAAGTCAAGATTCTCGATCATAATTTGATCAATGTAAGTAATTTCTTTCCCTCTGAGTT
AACAAGTTTATGTATCGTTCCAATTTAATCGGATGTCTCTTATGAATTTCTTCAAGAATCATTCTCAAGGTTT
TTTTACCCTTGATGATGCGTCAAGTGTCTTGAAA

>trans_s_12376BT029448|Arabidopsis thaliana At3g10405 mRNA, complete cds

AAGACTATATCAAACCTATAATTAGTAACATTGATTCAACAAAGCGACGACGTTGGGGATAAGACACAAACCAC
GGAGCTAATGGCTTCGTCTCTAACCTTCTCGCCTTATCCATTTTGAACCTCACGTACCCTCCGGACAACCTTATT
CCATTTTCATCAATGGCGCTTCTTCCAAAATCCACCTCTATCCGCTTCTTCTACGTGTAATCCCTTCAAGTTAAAG
CTCCGACGAGTTTCCAAAGCGTCTTCGGAAGGGGCTTCCAATGAATTAATCGAGGATACGAAGTTTGTCCCT
TGAATGCTGATGATCCCAGATATGGTCCACCTGCGTTGCTGCTGCTGGGCTTTGAGCTGGACGAGGCAGTGA
AGATTCAAGAGCTTTTGAAGGATTGGACGGTGAATTCATGCGGGTTATTCTTTGTACCGAAGATATGATTAC
TCGATCCCTGTGGGAAGCAGTTCATACAAACCAACCAGTTTTGGCAAAAGTGAAGATAGCCAGATCATTGCCA
CGAATCTGTTTTTATCTGGTCTAAGCGGAGAGGAAATGATGATGTTTATTGATGCTTTTCCAGAACTGGACT
TGAACCAGCTGTATTTGCTGCTCTTGTTCCCAACGCTGCTAACAAACCAGTAGAAGAGTTAATAGAAGAGATC
ATGGGAGACCATGAAGCGATGACTGGTGTGCATCAGAAGGGACATAGGGAAGAACTCCAAGTAGAAACCT
GCAGATTTGGAGAAAACACTTTCTCCCCCTTTGTTCTTTTGCTATTCTTTCTTTGAAAATCATTGATCTTCTT
GTCTTAAATCCAATCTGGACTTGTCTTGGATTTTACTCAACTATGTATTATCCCTTGAATAAGTTGAGTGTGAA
AATTAGAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGTAAATCTTATTAGTTGTTCTA
GTTTTCTTTAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans_s_12377BT029155|Arabidopsis thaliana At3g48710 mRNA, complete cds

AGAAAACATACCTCGGATGTTGAGGAAGAAGAAGAGGATGATAATTTGAAGCCTCAAACGAAAAGGATGTTT
CTCAAGATAAGGAAGATGACGACGATGATGCAACTGCCTCAAAAGAAGAAATCGATGAAAAGGATAAATCA

GATGAGGATGAAAAGACACCAGAGAAAATGCCTAGTCCAAAGAAGCCATCTAAGAAGGCTGGAAAAGATTC
TGGGTCTAAATCTGTTGAAAAATCTTCTTCTACAAAGAAAGTGGCTGTGAAATCTGCTAAAGAAGCTGCAAAA
TCAACTAAAAAATCATCTAGTTCGGCTTCAAAAAAGGATGCTGTCAAATCTGTTGCCTCACCATCAAAGCCAA
AGGGCTCATCCAAAAAGCCAAAAGTCGAGGAAAAGAAGCCTGTAAAGGAAAAATCTTCAGGCAAGAAACAG
ACGAGCAAAGCCCCTGCAAAGATTTCCGGTAGAAGAACAAGGCAAGGGAAAGAGTAGCAAGAAAGCTAAGAA
AGAACCCAGCAGAGAGGAGATGCATGAAGTTGTAGTTAATATTCTGAAGCAAGTTGATTTCAATACTGCAACT
TTGTCCGACATTCTCAGGCAACTTGGTACCCACTTTGGTGTGGATTTAATGCATAGGAAAGCAGAGGTGAAGG
ATATTATAACAGATGTGATAAATAACATGAGTGATGAAGAAGAGGAGGCTGATGATGATGGTGGTGTATGATA
CGGACAAAGATGAGGATAAGGATGAGGATGCTTAACCTGTTTAATGTATCCTTACTTTTCTGTACCCCTGGCA
GAAGATCATTTTACACTTTCTGAATGATCATCCCTTCATGATCTCCATCTGCAGTCTCGATTGTTACACCAAAT
GTTTAGATATCTCTGGCATGGTCTGTATAATGTACCATATAGATTTAACATTTTTGTATGGTCAACTTGCTAGCC
TACCCCCATTTTTCCCTTCCCCCCCCAACTAATTGTATTTACCCCT

>trans_s_12378FJ050189|Pinus taeda isolate 3932 anonymous locus 0_12916_01 genomic
sequence

GGGGGGGGGGACAAAACATCATCTTCTTCAATCACACCGTCAATCAACAGGCCCCACCACTAAATCAAATGC
TCTTGATTTCTGACACGTGGACCCCATATGTTTGTATCCAAAGAAAACCCACACCCAATGACCGTATGCGACA
TGCGTTGGCTGGCGAATTCTGATTGGTCTTCTTCATGTGTAGCTCTCTCACTTCAGTATCCTTTCTGCTCGGATT
CTAATTCTATTATTTCAATTTGTGCTTTCGCTTCTTCAATGGCCGCTCAAATTTTATTCTATCCTCTCTCTCTTAA
TCGCTCCTTCGAACATTCTGCTTCTCCACAATGGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCGCCATTGATG
GAACCTTGCGATCGGAGGATGATCGGATCGAGGAGGGAGAAGATCTTCGTGATGAAGAAGTAGGAGGTTTT
TCGTATTCTTCATGTGGATGTTTCTTCGGATTCCGATCCAGACTGTCTCGTGTTGAGGCGGGTATTTACCGCT
GCAATCGAATCGGAAGAGCGAAGAAGTGAAGCAGCAGAGTTGGATGATGAGGAAGGTGAAGAGATTGAAC
GAGATTATAAAAGCTATGGCAGGGCGGAAGTGGAGAAGTTTGATTAATGGAATAATTAACAAGAGACGGAG
TGTGAGGTTTCAGTACGATCCGAGGAGTTATGCTCTGAATTTTGACGAAGGGATGGAGGAAGAAGGACGCCG
TAGTCTCCAGCCGATCGGACTGGGGATTGGAATGAACAGAAACCAAATATGATAGATATGCTTATTGGCCGG
TTCGACACGTTCCATCTGTTGTTGTTCTTCATCATCATCTTCTTCTTCTTCCATTGTCATTTTTTATGTACATTGC
TTAATTAATAAATTAGTTGTGCTAATTCTTACGTTTTCACTTAGATATCCATTCAATATATAAATATTTCTTCTCC
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12379NM_147837|Arabidopsis thaliana ATP binding / ATP-dependent helicase/ double-
stranded RNA binding / helicase/ nucleic acid binding (AT5G04895) mRNA, complete cds

AACTCAAGGAAGAACTTGATAAGCTTATTGAAAACAACTTGAGAACCCAGGACTTGATATTCTCAAGGAAGG
AAAGTACCTTGTTCTTTCTGTTCAAGAGTTGGTGTGCGGGCGACCAATGCGAAGGGAGATTTGTGTTGGTCGA
AACAGTAAGAAGCAAGCAGTGTCTAAGGACGACAGATTCACAAAGGATGGTACCAACCCAAAGAGCTTGCTA
CAAACCTTGCTAATGAGGGCAGGACATTCCCCTCCAAAGTACAAAACGAAGCACCTCAAGACAAATGAGTTTA
GGGCACTAGTAGAGTTTAAGGGCATGCAATTTGTGGTAAGCCTAAGAAAAACAAGCAGCTTGCCGAGAGG
GATGCTGCTATAGAGTCTCTGGCCTGGTTGACACAAACCTCTGACAACAATGCGAATTCAGACGACGACTCTC
CTATTGATGTACCGACAACATGCTAAAACCTTCTGGAAAACGAAGGCGGTCTAAACGTCGTTGACTTGATAG
ACAATAAGTAAATGGTTGTACTCTTATTCAAACCAGCAGGTGGATTTACTTCATTTGAAGTATGTATAAGTTCC
AGGTGAGCTTGATCTCCGTATGTGCATTAGAGTGTGCACAGCTCGATGCTTCTGAGTAGGAAAAGGAGATAC
GTTGATGTACGGCAAGAGAACAAGTCTTATCGAAGTGTATACTTTGGGCATGATATCATGATAACTTAATA
TACAATTNGATGGAGCTGGTCTATAGCTCTCAAATTTAGGAGAATGTGAGCTGGGCCCTTGGCATTATGTTTA
TTACACTTGAATAAATAAATTTGTTTTAGTTTTAGTTTTGTCTATTCTGAGAAAGTGATAGATGTGTTCTTT

GTTTGGGATTTTCTTTGGTTGTGTAAACATATTTGAATTGATATCGGCGATAGAAGTTCATTGTTGCTATATTTAC
AATTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12380NM_179931|Arabidopsis thaliana FACE2 (FARNESYLATED PROTEIN-CONVERTING
ENZYME 2); endopeptidase (FACE2) mRNA, complete cds

ATCTGAACTTGAGGTTAATCGAAGAAATTGGAAAACAGCGGGAAGGGGACTCGGAAGCATTCCGATTCAAC
TCGGCGTCCACAGGGCGGCGAGTCGTCGGAAGCAAGGCTAATTCGAACTGTGAGCTCAACGGAAAGCGATTT
GAGATTCATCTTCAGACCCAACTGCGAAGAACATCTTCATTTAATCTAGGTTTGTGAGAAATCGAATAATGG
AGGAGGAAGATTGTTTGATCTCCAAAGCAGTGGCAGTGACGGCCTGCACTGCTATGGCTCTGTTCTACGTTGC
CATTCTCTATGCTCCTGCTTTGTTACTTCGTCTACCACCTCCTCCTTCTCTCAAGTTTACATGATTCGACGGTTCC
TGTGCGCCTTCATTTCCACCGCCGTTTCGATCTTCGTCTGCGCTCTAATCCTTCCTATAAAGAAAATGGAGTTAT
CACTGTTATTGGCAGCTTATGGTGTCGAGCAGATCATATTTGGCAAGCTGTGTTCTTCTCTTCATTGACTT
CTTTTATGTACGTTGGATCAATGGTCTTAAAGTCTTTGTTATTGGTGGATTTCATGGAGAGAACATATGAATCGT
GGAGGAGACTCCCTTTTGAAGTGTGCCAGAATGTTGTGGACAAGAGTTCTTGATTGGGGGCTATCAACTGTCT
CAAATATTTTAGCTTGGAGAAATTATGTTGTGGCTCCACTAACTGAGGAGTTGGTGTGTTAGAGCGTGCATGAT
ACCAATTCTTCTATCTGGGGGATTTAAGCCGATCACTGTGATATTTCTCTGCCCCATTCTTTTCACTCTGGCGCA
TTTAAACCACTTTATGGAGTACTATAGCAAGCAGAACAATACCTAACCAAGCGGTTATGGTTGTAGGTCTCC
AGCTTGGGTATACTGGTGGTATTTGGATCATACGCGAGTTTTCTTTGTGCGAACTGGGCATCTTCTTGCTCC
CATAGTTGCTCACGTTTTTTGCAACTTAATGG

>trans_s_12381NM_001072568|Oryza sativa Japonica Group Os12g0123900 (Os12g0123900)
mRNA, complete cds

AAAATTAAGAAAGAAAAATAAAAGTTTCAGAATCTCTCCCAATCTCAGGCTCTCTCATCAGGAACACAGCAATA
TTTACATAACATCCAAAAAATTTCTCCAAATAGATCAAATTCGTCGAGGAAAGGACACTGCTCGGACGACTTT
CCTCTCAGTTGCGAGAGAAATCCGATACAACGTTGCCTCTGTTCTATAAATCGCCTTCAGAGAGATGAAGCAA
GCGGACGTGCCACGTTGGATTTGTTTCTGTTGTTCTCTGGCGGCAGCGACATTTAAGCCCATCTCTTCTTTG
CCATCTACTATTCTGCATTTCTCTGGTCCCCTCACCATCGCCACGGGTTTTCTAACAACATTCTAGAAAAATAT
GTTGATTATCAGACCATTTCCCCACAGGAGCTGGCGAAGTCTGTTCTAAATGAAGGAGGCTGGTCACAACTTC
TGTGCACGGGAAAGGAAGTAAAGCAGCCTGTGGATCTTGCAATAATCTTTGTGCGTTCCAAGTTGCAGTCAGA
TTTCACATCAAGCAGGCACGTGGATCCAAATCTTATGGATTTACTTAAGGTCTCTTTCTCAAGGTCTAACTTCTC
CATGGCCTTTCCCTATGTGGCTGCACCAGAAAGGGGTGCAGTAGAAAAGTTATTGATCTCAGAATTCAAACAA
TCGTGTGGGCATGACCTCAGAATCAGCAATAGTGCTTTCCAGGAGTTGTCCTCTGTTGAGGATGAATCATTCC
AGAAACTTCCGCTGCTGCCACATTCGATTAATGATTATATGGTTTCAAGAATGGAAAACAAGCCAGAGGGAGA
GACAGAATTGGTCATTTTCTCTCATGGAGATTTAGTTCTCTGAAGAAGGCAATCCATGGACTTCTGAAAGCA
AACTTTGTGCGAGATAATGACTTCTGCAGAGCATGTTGGGGCAAAGTATGAAATTCTCTATATATCAGATCC
CTTAGGTCCATTCGCCATTCTATGTGGAGCTAG

>trans_s_12382XM_002323077|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

TCACTATATGAAGATTCCCCAAGATCAATGTTCTTGTTCAGTTAGTTGGAACAGTAGTAGCTTCAAGTGTCT
ACTTTGGCACAGCATGGTGGCTTCTTACAAGTGTGACCACATCTGTGATCCAGCCTTGCTACCAGAAGGAAG
TCCATGGACATGCCCTGGTGATGACGTTTTCTACAATGCATCCATCATATGGGGAGTTGTGCGGGCCACTCAGA
ATGTTTGGAAAGTTGGGTGTTTACCCAGAGATGAACTGGTTCTTCTTGTGGCTTACTTGCCCCAGTCCCTGT
ATGGTGGCTTTCTCGGCAGTTCCCAACCAAAAGTGGATTAGACTTATAAATGTACCCATTATATTTGGAGCTG
GTTTGGGCATTCCACCAGCTAGGTCAGTAACTATCTGATGTGGGGTGTGTTAGGGATTTTCTTAATTTCTAT

ATCTACAGGAAGTACAAGGGATGGTGGGCAAGGCATAATTATATCTTGTCTAGCTGCTTTGGATGCTGGGGTT
GCTTTCATGGGAGTTCTCATATATTTACCCCTTCAATCAAAGAATATAATAGGTCCAGAATGGTGGGGACTCAG
CAGCACAGACCGTTGTCCATTGGCCACCTGTCCTACTGCACCCGGAATAGTGGTCAAAGGGTGCCCCGTCCAT
TGAGGTTCTCTCTGAAATAGAAGCTGGGGTTGTCTATAGTCTTCTACTATAAAATGTTGATAGCACATTGGTAG
AATCTAGTGATAATGTTGTGATCCATTAGTTCATTAATCGAACTTCAAACAGGTCTAGGCATTTTCTTTCAGTTG
CAATATTATCTTCAAATTTCTGCTATCTTGCTCAAGCTTGATAGAACTTAAATGGGGATAATTCATACCAAAT
ATTGTATCTGATGAATCAAAATTATCAGTTTCTCAAATAAACAAATAAGCATTGTATGAATTACAACCTACCAG
TAATCACCACAAGAACAATAACCATTTTGTAAA

>trans_s_12383EF362785|*Solanum tuberosum* inositol polyphosphate multikinase (IPMK) mRNA,
complete cds

AAAGAAAAGGAAAGCAAAGTCATAAAAGGTTGTAATCTTTTGTGACCGAAGATGCGGAGGTGGGGCACC
AACACCGCCGCCATCGCCGCCGCGTCGCCCCAGGCGCATCAATATAAAAGCCAAGCTCTCACGCTTCTTCTC
CCATCCGCCATTGCCATTCTCTCTCTTCTCCTCAAATTCCTTTTCTTTTCTTTTACAACGCCTGGCCATGTTTAA
ATTCCAGATCATCAAGTTGCTGGCCATCAAGCCAGTAGTGGAATAATGGGTCCTCTGTAGATGATTCAGGGC
TCTTCTCAAGCCTTACAGAAGGATGAACGAGGTTTCAAGGAAGTGGCTTCTATAAATCATTCTTCTTCAAAT
ACCAAATTCCTGATAAAATTCGTTCTTCTTCCCTGCCTCCATGGAAGCTGAGATATACCGGCATCAGACGG
TTCTGGCTTGCATCCTCACCTTGTTTTGGAGGACCTAATCTCAAATTACGAAAATCCGTCGATTGTGGATATTAA
GATTGGTTCTAGAACTTGGTATCCACAAGCTTCCGAGGAGTATATTCAAAGGTGCTTAAAGAAGGATAGAGAA
ACCTCTAGCTTGGCCTTGGGGTTCAGGCTTTCAGGATTGCAGATTCATGTGAGCCAAAAAGTTGGATATTGGA
AGCCAGAGAGGAAATTTTGCAAAACCTCTCGGCCGAGAAAGTTAAGATTATTCTGAAAAATTTGTTTCTTCA
AACGCTTCTGCAGATTCTGAAGTGGATGATCTTGATTGTGTTTTGCACCATCGGTTTATGGTGGTACAAATGG
GATTTTGGCACAATTATTGGAACCTCAAACCTGGTTTGAAGATCAGAAGTTTACCATTTTATTCTAGCTCAGT
GCTCATGGTGTATGGTAAAGAATCTGCGCTGGAAACTAAGTCGAATTTAGCCAATAAGCTTGTGATTTTGTCT
CACGTTGTAGATAGCAATGGTGTCTATCGATCA

>trans_s_12384XM_002984655|*Selaginella moellendorffii* ubiquitin-conjugating enzyme 19, E2
(UBC19-1), mRNA

AACCCAAGATTTTTCTCCAGAAAGAAGAAAGTGAAATATCACTGATTTTCACTCATAATTGAATTCAAATCCTTT
TAGTCTAAGAAAGACCTTTTTTGCATTTTATCCTCCGTTTGTTAGTAGTGTGGATCTAATTCTGGAGGA
TTTTCTTTCTGGGGAGTGTTATTGATCGTTGTGGATATGGAAGTCAGACCCAATCCGACACCCGAAAACCTCGT
CGGTGTCGCAGCATCATCTAATCAGTTCTTCGTTAAAGCAGCCTGCCGCTTCTTCCAATCCTATCGATTCCA
ACGCTGTTGCGCAGAGGCTGCAAAAGGAGTTGATGTCACTGATGATGAGTGGAGGTGATCTAGGCGTATCAG
CTTTTCCAGATGGTGAGAGCATTTTCACATGGATTGGCACCATTACAGGGTGGGAAAGGAACTACATACGAGG
GTTTGTCTTACAACTCTCCTTACATTTTCCCATGGAGTACCCTTTCAAGCCACCCCTGTAAAGTTCGAGACGA
TGTGCTTCCATCCGAACGTTGATCAATATGGCAACATTTGTCTTGATATTCTTCAGGACAAGTGGTCTTCGGCT
TATGATTGCAGAACCATCCTTTTGTCTATCCAAAGCCTATTAGGAGAGCCCAACCCAGAGAGTCTCTCAACAG
CTATGCTGCTGCTCTGTGGAATAACAAGGAAGATTACAGAAAGATGGTCCACAAACAATACTTTTCTGGTGCA
GTCTTGGACGGCTGATTTTGAAAAGCCTAAGTAGAGAACAACGATTGACACCATATCGTCAGTTTGGCATAC
ATTAAAAATACTGTAAAGCGTCGAGATAAAAAGGTTTCAGACTTCATAACATAGAGAGAGAAAAAGAGAGAT
TATAGTTTACATATGAACTGGATATTTGTACCATTTTATCTGCCCATGGCTGCTATATTGGAAGGATGGACTTTT
ACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12385AL161556|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 56

AAAACCTTATAATTTTTGTCTTATTTTTGTTAATTTCCCAAATAAACTCACCTTTGGTTTTTCATTGTTGACCGTT
CAGCCCCCTTCGTCAAAATCAAGCCCTAAACACTCTTCACTCTCCTCCGGTCTTCCCCAATCTTCGACGTCCGCC
CATCCCCTCCGATCAGACGGCGCCGGCGACTGCAACTCCGATCTGACCAGCCGCGTTGGCCCTCCGTTTTGTTT
ACTTGCTGTCTCGGTTTAAAGAAACATTTCCCAAGAAAGAATGGCAGGCAAGGCTGCCAAATCTGTGGCGAA
GGCCATCAGCGAGTATCAGTATCCATGGCAGGAGAAGTTGGCAAAATACAAGAATGAGCTATCGAAAGGGG
TTTGGGGTTACTGGGAACTAGGGGCATGGAAGCACCTGGGCATAAGTGCACGTCATCGAGCCAGGCTTCGCA
AGGAAGTACTTCTTGCTGGGCAGGATTGGCCATATGATCCAGAGAGGAAAAGAGATGAGAACCAAGAGGAAA
GGGCACAAATGCGATCGTATTGCGGCAGAGAAACGGGAAAACACTGCCAGGTTGATGGAGAAAATGCCAGA
TATGTTACTTCAATACAAGAAGCGCAGGTGGGAGAAGAAGATGAAGGAAGAAGAGAAGAAAAAGCAAGAC
AACTGATATGTTCTTGTTTTTTTACTTGGTCCCGACAACCTATAGATGGTTGGTTTCTTGCTGGTTTCTCATGCAT
GGGGATATTGGTTTTGTTATCTATACTTTGGATTAGATATCGGTATATCACTTTGTAGGAATTAATAATCTTTGA
TTTCATGTTTGGTTATCCCTTACATGACAGTGATCTTAAGTAAATTGATGTTTGTATTGATATAACAAATGAGG
AAGAATTAGAGCACTCATAGTTTTCCATGTATAAAAACATTTCTTTTTACTGCCGCTCTTAGAAAAATATTCTCTTT
GTATGAACATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12386NM_114521|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-
containing protein / clathrin assembly protein-related (AT3G46540) mRNA, complete cds

ATGATTTGAAGAAACAAGCTTCTTTCTTTTCAAAGAGAAAATCAAGACTGCTAGATTAGCCCTCACTGATGTC
ACCTCTGCTGAATTATTGACTGAAGAAGCCATTAACGGGAACCTGATGCAAGAACCTTGAGTTCAATTTCAA
GGGCAGCTTTTGAGGTTGATGATTATTGGAGAATTGTAGCAATCTTCATAAAAGGCAGATTGGTGAAATTTG
AAAAGAAGAATTGGAGAAATTCCTACAACCTCTCATCATTCTTGAACATCTCTTGACTCATGGACCAGAGAGT
GTAGCAAAGGAATTTGAGAGCGAAAAACATGTTATTACCCAAATGGCTAACTTCCAATATGTCGATGAAAAAG
GGTTCAATTGGGGCATTTCAGTTAGAAAGAGATCAGAGAGAATATTGAATCTACTTGACAAAGGATCTCTTCT
CAAGAATGAGAGAGAGAAGGCAAGAAAATTGACCAGAGAGATTCTTGGATTTGGTAGCTTCTCCATGAGATC
AAATTCTCAAGGAATTTTTCAACATCCTTCTTCACCATTGCAAGATATGGAAAGTGCAATTCCAACCTCAACA
GTCTTGACAATAATATTCTTCACCAAGACGGTTCTGCGGTAGATGGCCAGAAGATCAAAATGCTCGAAACTCG
AGAAGGCGTGGAAGACAACTTTTTGGTTGGAATAAACAAGGAAGAGTTGCTTAGATGGGATGATGATGGTGT
GTGCAAGGTGAAACCCGTTCTGAGTGGTAAGAGGGAGGAAGAGGAGTTGAAGAATGGAATCTCTAGTGATG
GTTACGATCATCCATTATCGACGACGAACTCAAAACGAATTTCTCATTGCTTCGAGATAGGGAGAGATAAA
GAGGAATTGATGATTTGTTTGAATTCCATTCATGAATAAAAATGTCTTATACTTATACGTAACCTGACTAGAGA
TTAACATCGTATACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12387NM_001072104|Oryza sativa Japonica Group Os11g0113200 (Os11g0113200)
mRNA, complete cds

ATCAGCAATACACAGCTTTCTGGGCAAGTTGTAGGCTCACAGTTATCTGGGCAAGTTTCTGGAGCCCAGTTAC
CTGGACAGTTATCATCGACACAGTCATATGATAATCTATTAATTTTGGTCTGCCATCTCCATTTACCATATCCA
CGTATCCTAAGGGTCTGCCAGTAGTAGTATAGGTTTTTACCTCTAATTGAACCTCAATTTTCTCATGTTGCTG
AAGGGTCTCATGAATTTGTGCCTGAAGAACCAGAGCTTTTTGAAGATCCTTGTTACATACCTGATGTTGTATCC
TTGTTGGGTCTGTCTCAGAGTCGCTTGATGATTTTCGGTTGGATTTAGGAACTGGCTCTGTATCAGAAATGGA
AAGACCACGGAAGCTCTAAAACTGCTTCTCGGAAATTAACAAACCATCTCCAATCGAGTCACCTTTATCACGGG
AAAAGCATAATTGTTCTAATAATTTCCCGAGCACCCCAAGCATTGGACCTGAGAAGTCTCCCAAGGATGA
AATGAATGCAAATGAGAAGGGAACATGGCAGATGTGGAATAGTTCTCCCTTTGGCCAGGATGGTTTAGGTTT
AGTAGGTGGGCCAGCCGGCTGGATTGCTCTGCTGAATCTAATAGACCAAATATGGACGATTTTTTCCACCCC
CCTCAGAAAACTATCCACCAACATTCATTAAAGAGGATCCAGTTTTGTCTGGCACACTTCTTCGCAGAATGT

TTTCCTTGGTAATGGCCAAAGTGTAGGGGCATTTAACCAAGTTATGAGTTGTGATCATGATCCATGGTTAAAG
AAGCCTTTCTATCCGCCATTGTCTAGAAGTGAGAACAATTTCACTGTTATGCCTCAGGAAGAACTGTTTCAGAA
TGAAATGATGTATGGTAGCCCCAACAGATCTTCCACTGGTCATCCATTTGAGCTGCCTGCAACTAGCTGTTGGT
CAAAAGAATGGGAAGCACAAAGGGTCAGGGATGG

>trans_s_12388NM_001065666|Oryza sativa Japonica Group Os07g0201100 (Os07g0201100)
mRNA, complete cds

CAGTGCCGTGAGCACATTAGCAAGATTTGGTGTACAGTTGAATCATTGAAGCCTCGAATATTTGTTCTGTTGA
GACGATGTCTTTTTGACAATGACGATGAGGTTTCAGATAGGGCCACCCTATATTTAAAACTCTGGAGCTGA
TGGTACAGTTGCTGAAACTGAGAAGGATGCGACTGACTTTCTTTTCGGCCCTCTAGATGTCCCACTGATCAATC
TAGAAACAAGTTTGAAGAATTATGAGCCTTCTGAGGAACCTTTTGACATTGATTCCGTGCCCAAGGAAATCAA
GTCCCAGCCACTTGCTGAGAAGAAAGCTCCAGGTAAAAAGCCAGCTGGGCTTGGTGCTCCTCCAAGTGGCCC
AACAGCCACTGTTGATGCATATGAAAAGCTGCTTTCTTCGATTCCAGAATTTGCAAACCTTTGGAAAACTCTTCA
AGTCTTCAGCACCTGTAGAGCTTACAGAAGCAGAAACGGAATATGCAGTTAATGTTGTTAAGCACATTTTTGA
TAGCCATGTTGTGTTTCAGTACAACCTGCACAAATACAATTCCTGAGCAACTACTTGAAAATGTCACTGTTGTTG
TTGACGCATCTGAAGCAGAGGAATTCTCTGAAGTGATATCCAGACCTCTCAGATCACTTCCCTATGATTCACCC
GGACAAACCTTTGTGGCATTGAGAAGCCTGAAGGAGTCCCCGCTGTTGGGAAATTTTCAAACATGTTGAGAT
TTATTGTTAAAGAGGTTGACCCAAGTACAGGTGAGGCAGAAGAAGATGGTGTGGAGGATGAGTACCAGTTG
GAGGATTTGGAGGTTGTTGCTGCTGATTACATGTTGAAAGCTGGGGTCTCTAATTTTAAGAATGCATGGGACA
GCTTGGGTCCAGATTGTGAGCGAGTTGATGAGTACGGCCTTGACCGAGGGAGAGTTTGGCAGAAGCTGTA
GGTGCTGTCATAAATCTTCTCGGCATGCAGCCGTGTGAGGGT

>trans_s_12389DQ010042|Cucumis sativus high mobility group protein mRNA, complete cds

AAACCGACTCCCTTCATATCCCTCTCTCTCGCTCCCTCTTCACTTCAAAGGGCTTTTCCTTCTTCCACATAAACA
CACGCACTCGAAGCCAATCTCAAAACCGCATCACACGAACCAAACTAAGCCTAACCCAATTTTTCTCCTCATAT
TTCCTCTCACACTCTTTCCTTATCTTCTTCTTCCCCCAAACCTAGAGTTTTACAGGATTCATCATGAAGGGCG
GTAAATCCAAGGGGGCGCCTAAAAAGACCGATACCAAGTTGAAGAGCAAAAGTGCCGGAGCTAGTAAGAAA
TCAGCGAAGGCTGCAAAGGATCCTAACAAGCCGAAGAGGCCTGCTAGTGCTTCTTCGTTTTCATGGAGGAGT
TCAGGAAGCAATACAAGAAGGAACATCCTAACAACAATCCGTGCGCGCAATGAAAGGCTGGTGGTGATA
AATGGAAGTCAATGTCCGACGCTGAGAAAGCACCTTACATAAACAAGGCTGAGAAAAGGAAGACTGAGTACA
ACAAGAGCATGCAGGCTTATAATAAGAGAATTGCGGAGGGAGGTAATGGAGCCGAAGAAGAAGAATCAGAT
AAATCCAAATCAGAAGTCAATGATGACGATGAAGATGATGATGAGAGTGGAGAGGACGAAGATGATGAGTA
AATGTTTAGGAGACGAGGAATGATGTGGTGGAAGAACAAGCGTTTTAACTCCTTCATAGTTTCGGAGCAA
AGACTCAGCAATTTAGATTTTTCTTTATTATGTCTTGGATAAATAGCTACTTCTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTG
GTAATTAGGATAGAATGGGAGAAAAGAAATCAAAAAAAAAAAGGAAGGTTTCGTGTTTGATGTTAGATTTCTTA
AGTTGACATGGATATGTATTCAAGGAAAAATCTGTGTTAGTAATTGCACAATGATTCAGTTTTTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12390AJ437269|Cucumis sativus mRNA for isocitrate dehydrogenase

TTCTCCTACTGCAACTCTCCATTCTCACCATTTTTTGTGCTTCCATTTCTTTGCTTCTCTGTACTCCCCATTT
TTGATCTTCTCTTTGAGTACTTCCCTCAGAAGGAGCGAGACCACGAACCATGGCTTTCAGAAGATCAAGGTTA
CCAATCCCATCGTTGAGATGGACGGAGATGAAATGACTCGAGTTATCTGGGAATCAATTAAGAATAAGCTTAT
TTTCCATTTTTGGAATTGGACATCAAGTATTTTGACCTTGGCCTTCCACACCGTGATGCCACAGATGATAAAG
TTACAATTGAAAGTGCAGAAGCTACTTTAAAGTACAATGTAGCAATCAAATGTGCAACAATTACTCCAGATGA

GGCACGTGTTAAGGAATTTGGCTTGAAGCAGATGTGGAGAAGTCCAAATGGAACAATCAGGAATATTCTGAA
TGGTACTGTCTTCAGAGAACCGATTCTTTGCAAAAATGTTCTCGCCTTGTACCAGGTTGGACGAAGCCTATCT
GTATTGGAAGACATGCTTTTGGTGATCAATACAGAGCTACTGATACAGTCATCAAAGGACCTGGGAAACTGAA
ACTAGTTTTTTGAGGGGCGAGGAGACGCAAGAGATAGAGGTTTTCAATTTTACTGGTGCTGGAGGAGTTGCATT
AGCTATGTATAAACTGACGAGTCCATCCGCTCTTTGCTGAGGCATCAATGGCCACTGCTTATGAGAAGAAA
TGGCCTCTTTACCTTAGCACAAAAAATACTATTCTAAAGAAATACGATGGAAGATTCAAGGATATATTCCAAGA
AGTCTACGAATCTCAGTGGAATCAAAGTTGCAAGCTGCTGGCATATGGTATGAACACCGTCTCATCGATGAT
ATGGTGGCTTATGCACTTAAGAGTGAAGGAGGTTATGTGTGGGCATGCAAGAACTATGATGGAGATGTTGAG
AGTGATTTCTTAGCTCAAGGATTTGGATCTCTTGGG

>trans_s_12391XM_002867449|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata band 7 family protein, mRNA

GGATATCTTTGCCTCTTCTTCAAGGCTTCTTCGGCTGCAAGAAAGAAAAAGTGGAGCTGGGGGGGTCTAACTT
CTTCTTCTAAAACCTCCAGGTTTTACATTTACTAGGGCTTTACTTCTGTCTTCTCATTGCTCCAGACATGATG
AATTGTTTCAACCCCAATGCTTCTCCACCCTTAGATTTCTCAATTCAATTGCCATTCCAGACATCTCTCCACCC
TTTCCCCATTCACTCCGACGCGTTCTTCTTTCTTCTCTCCACAACCTTTTTCTCCTCAACCCTCTTCTCTCATCT
CACATCCTCTCTTCTGCCACCACCATACGCTATCTTCGCACTGGTTCGAGATCCCAACATCAGCTATGAGATTA
CTCCTCCTATCAACTGGGGTATTGCAATTGTCCCCGAAAAGAAGGCTTATGTGATCGAACGATTTGGTAAGTAT
GTGAAGACTCTCCCCTCGGGAATTCATTTTCTGATTCTTTTGTGATCGGATTGCCTATGTGCATTCCTTGAAG
GAGGAAGCTATTCCTATTCCGGACCACTGCTATCACAAAGGATAATGTCAGCATTTTGATAGATGGGGTGC
TTTATGTAAAGATAGTGGACCCCAAGCTGGCATCTATGGAGTTGAGAATCCCATATACGCTGTTATTGAGCTC
GCTCAGACTACAATGCGTAGCGAGCTTGGGAAGATAACTCTTGACAAAACATTTGAGGAGAGAGACACGCTG
AATGAGAAGATAGTGGAGTCTATCAACGTAGCTGCAAGGGACTGGGGACTGCAATGCCTTCGATATGAAATA
AGGGATATTTCTCCACCTCGCGGGGTGAGGGCCGCTATGGAGATGCAAGCTGAAGCAGAACGTAAAAAGAG
AGCTCAAGTTCTTGAGTCTGAAGGAGAAAGACAGGCCAACATCAATATTGCTGATGGTAGGAAGAATGCAGT
TATATTAGAATCTGAAGCTGCAAAAATGG

>trans_s_12392NM_180408|Arabidopsis thaliana OTU-like cysteine protease family protein
(AT3G62940) mRNA, complete cds

TCTTCTCCTAATGCCCTAGCTTCTCTCAGTTCCATTTCTCTTCAACCTCTTCTCATCACATTTCAATTTTCAATTTT
CGTTCGATTTGGCCCTAGCTTCTGCTATACTGCTTTTTGTTTTTGGATTTGACGGAAAATTGTTGACATTTAGA
AGAAGAACGCTTGGTGAGGGTCATTTCTTAAAGTAATTCTTGAAGAAGATAGTTGCTGAGAACTATGGATGAC
ACTGAGCAAATAGAGGACACATCATCTGGAAGTGTCCCGGATAAAGCATCTCAAGAGAATCATGAAAGTCGT
GATGAAATGCTTCAAGGCATAGGAAAGAGATATCTCAGTTGCAGAACAAAGAAATCGAACTTAAAAAGGCA
GCGGCTAGAGGTAGCAAAGCTGAACAAAAAGTGAAGAAAAAACAGGTGGAGGAAGAGATATCTCAACTTT
CTGGGAAGCTTAAAAAGAAACATGCTGAAGAACTCGCGTCCTTAGGCTTTAGTAACAGTAATGGAAATGAGA
AAAACATCGACAATCTAGTGAAGGCCATAGCTGGGGTATCTATGACAGCTCAATCCGATCATTCAAAGCCGAG
CAAAAGCACAAAGGCGTAAAGAGAAAAGGGCTCAACAAGAAGCCGAAAGAGACCGAAGAATTGAAGAGGAG
CAAAGCAACATCGTGAGTGATAGAATGATCGAAAATGAGCATTTGGAAAAGAAGCTCGGACCTCTTGGTTTG
ACTGTCAACGAAATCAAGCCAGATGGACATTGCCTCTACAGAGCAGTTGAAAACCAGCTAGCCTACCTTTGAG
GAGGTTTCACTCCATACAACCTACCAACAACCTCGGGAAATGGTAGCAGCTTACATGAGAGACCATCAACTGA
TTACATGCCATTTTTCTCTCGGACAATGGCATAGAAGGCAACTCCAACAGTTCGTTGGCTGAAAGGTTTGAA
ATTACTGCAAGGAAGTCGAGTCAACTGCAGCATGGGGA

>trans_s_12393AY105226|Zea mays PCO110390 mRNA sequence

ATCGAGCAGTACATTATGAAGGAACTCTAGCAGAATCTGGCGTAGTATTTGATTCAACTCGCGAAGACAATAC
TGTTTTCTCTTTGAGCTTGGAAAAGGATCCGTGATCCAGGCATGGGAAATTGCCGTCAAGACAATGAAGGTC
GGAGAGGTTGCAAAAATCACATGCAAGCCAGAATATGCTTATGGAGTTGCTGGTTCTCCACCGGACATCCCAC
CAGAGTAATGTCCTTACTCTTTTTCTCCTACTTATTATTATAAACGAGACACGGGAGTTGGTAGTGGCTTTATG
ATAATGTCTTGAATTCATTTCAAGGATACTAATGGTTACTGTATTTAAAATAGTATTCTGCTTTGGCTTGGACTG
GACCTTATTTCTCTAGGACATTTTCCTCATGAAGTATGTTGGACATTGCAATTGCCATGGATTCTTTATTCAA
TGGCTTTTTGTAGATTGTATATGTGCTTCTCAATTTTAGGTGATAAATTCATAACCCACTGTGTCACTCTCGTT
GCAGAGCAACTCTTATCTTTGAGGTGGAATTAGTGGCCTGCAAGCCCCGAAAGGTTCAAGTCTAGGCAGCG
TTTCTGAGGAAAGGGCTAGGCTGGAGTAAGTAATCCAGTTCTTCAACGATCCACTCTTTCAAAAATTTATTTA
CAATTTATTTTTTTGACATTATTGAATCAGAGAGTTGAAAAGGCAAAGGGAGGCTACTGCTGCATTGAAAGA
AGAGGAGAAGAAAAAGAGAGATGAAGCCAAAGCAGCGGCAGCTGCTCGGATGCAAGCCAAGTTAGAGTCC
AAAAAGGGCGGAAAGGGGAAGAGCAAAGCAAAATAATTTATGTTACAGTGTTAAAAGATCAGTTAAACAA
AATAAATGAGATAGAACTTTGGAGTCATGGATTGTGAATACATTTGAATTTGCTGTAGCAAATAGGATGATA
CAGTGAAATTGAGTCACGTTGCTTAGTATTTCC

>trans_s_12394NM_128165|Arabidopsis thaliana emb1345 (embryo defective 1345); nucleotide
binding (emb1345) mRNA, complete cds

AGAGCCGTGAAGTAATTGGCTTAGTTCATTAATGCGTACATCTCTGATAAGCGGACGACTTGTTGAGGAGAGA
ATCGGCGGCGGCGCGTGCTGATCCCTTCGCCGACCATTACAGTAGAGCGGCATAGTCTTCAATTATTGCGGTC
CTAGGGCTTGACAATTTCCCGTTCTTTTTTTCCGGAGATTTGGCCATTCTTGCGATGGAGCTTTTGGATGGCC
GATTTGAGCTCAAGGAGACTGCCAAGCTTGAAGGTCATACTGATAGGGTATGGAGTCTAGCATGGAATCCGG
CCACCGGAGTTGGAGGAATCCACTTGTTTTGCTTCCTGCAGCGGCGATAAAACCGTCCGTATCTGGGAGGA
AAGTCCCTCCTCTGTTCTGTTGAATTGCAAGGCAGTTTGGGAAGAAACATACTAGAACTGTGAGGTCATGC
GCTTGGTCACCAAATGGTAAATTATTGGCCACTGCAAGCTTTGATGCCACCACCGCTATTTGGGAGAATATAG
GGGGTGATTATGAATGTGTTTCCACTCTAGAGGGACATGAGAATGAGATCAAAAGCGTAGCTTGGAATGCAT
CTGGCTCTCTGCTTGCAACATGCAGTCGAGATAGAACCGTCTGGATTGGGAAGTATTGCCAGGAAATGAGTA
TGAGTGTGTTTCTGTGTTGCAAGGACACACACAAGATGTAAAAATGGTTCAATGGCACCCAACCATGGATCTT
TTATTCTCATGTAGCTATGACAACACTGTCAAGGTTTGGGCAGGTGATGATGACAATGATGATTGGCATTGTG
TTCAGACTTCAGATGAATCTAACAATGGTCACTCTTCTACAGTTTTGGGCCCTTTCTTTAATGCAACTGGAGAA
AAAATGGTCACCTGTAGTGATGATCTACCCCTTAAATTTGAGAAACAGATGAGACAAATTTGCATTCTGAGG
CTGGCTATTCACCATGGAGGCATACTTGTACTCTT

>trans_s_12395AY032953|Rosa hybrid cultivar CTR1-like protein kinase (CTR1) mRNA, complete cds

TACGTGATGAACCATCAAATGAAAAGTCAGATGTTTACAGCTTTGGAGTGATTTTGTGGGAGTTGGCAACTTT
GCAACAGCCATGGTGTAATCTAAACCCAGCTCAGGTTGTGCGAGCTGTTGGATTAAAGGGCAAAAGGCATGA
CATCCCACGAGATGTAAATCCCAAATTGGCTTCCTTAATAGTGGCTTGCTGGGCCGATGAGCCATGGAAACGT
CCTTCTTTTCCAGCATTATGGAAACCTTGAAACCAATGACTAAACAAGCGCCACCTAAACAAAGTCGCACAGA
CACCTCTCGGTTATGTGACAATGTGTGTATCATAGGAATGCCTGACGTTTTAGAGGGCTAAGTACGGTACCC
TTCAAGAGATGTCTGGCATGTTTAAACCATCTCAAACAAGCACCTGTGCTCGTAGCCAAATTTTCCATTGC
TAGTAGTTACAATTTTCAAGCTAAGTTCCTTGACCGTGCTTCTCAAGTTTTGTGAACGGATGGGGAAGTGTT
GGAAAACCTCAACTGCTAGACGATCCCATCAAATTTATTCTCAGTTCATAATCATCAAATGTAGAGAGATTAT
AAAAATGTGGATCACTTCATAGTCCACAATCAAGGAAGTTTCTACCTTTTTGCTATGGTGATGAAGAACTTCA
ACTCCATGTCACCTATTTCACTTCACACATTATTTGTTTGTATATCTATTGGTCTTACCTTTGAGGACTGGACCA
GGAACATAATTTGTACATACTAGTGATCAGTTGTGGCTGGATGCAATCATGTCTTCAGTCAGACTTGGTGTGTTG

CTAAGGAAATATCATTGTTGTTATTTAACAGCCACTTCAAACATTCAATTAATATTCACCGAGTCTATTATTTTA
GGTCCCGAAAATGGGAAGTGAAAGTCCCAAAGGCGAGGGGTTCTTTTTTTTTTCTCCTCTTTAAGAGGCAG
TGAAAGTTTATATTAGAAAGTGTTGGG

>trans_s_12396AB294694|Hevea brasiliensis HbMVD mRNA for 5-phosphomevelonate kinase,
complete cds, note: HbEST_No.00526

TTTTACCAGAAGTGCTTTCTTCTGCTCAGGCTGCCAAGAATGGAATACCCATAGAAGAGGTCATTGTCGATAT
CTTAAATCAGAAGTGGGACCATGAGAGGACTAAGTTCTCATTGCCTCCACTAATGACTCTTGACTTGGGGAG
CCAGGAGTGGGAGGGTCATCCACGCCTTCCATGGTAGGTGCTGTCAAAAAATGGCAAAAATCTGACCCTCAA
AGGTCTTTAGACACATGGAAGAAGTTGTCAGAAGGGAAGTCAAGAACTGAAACTCAACTCAATACGTTGAGC
AAACTTGCAGCTGAACACTGGGATGCTTATAAATATATCATAAACAGTTGTTGCAAGCTCACCTCGAAAAGT
GGATTCATCAAGCCACAGAACCTAACAGCAAGCCATCATCAAAGCATTATTAGGAGCAAGAAATGCTATGCT
TCAAAAAAGGCATCATATGCGCTTAATGGGTGAAGCTGCTGGTGTCCGAAAGAGCCAGAATCACAAACCAA
GCTTTTAAATGCTACCATGAATATGGAAGGAGTCTGGTAGCGGGAGTTCCAGGAGCAGGGGGTTTGATGC
TGTTTTTGCCGTGACCTTGGGAGACTCAACCAGCAATGTGATTAAATCATGGAGTTCAGTGGATATTTGGCTC
TCCTTGTTAGAGAAGATCCCCGTGGTGTGCTTTGGAAAGTGGTGATCCACGAACCAACGCAATTACATCAGC
TGTTTCATCAGTTCATATTTAGAAAAGGGAAGGTTTTCATCTTGTCTATTACATTGAATAATTTATTGCATCAA
TTGAAAATGTGAATTTTCTTCCAAAAATTATTTCCAACTTTTTAGATAATTAACAATTGATCCACTCATTACCGA
TTGGATGAAAGTCAATGTAATCTTCTTCTATTACATTATGTATTACTCTTCTTTATCAATAAAGAGAAATAGC
TAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12397AJ627484|Arabidopsis thaliana mRNA for Hop2 protein

TGGAAGAAGCCAGGGAAAGCACTTGGCAAAATTTCCCGCCATTTCTCTTCACTCTAATCCATCAATGGCTCCC
AAATCCGATAGCGCAGAAGCGATCGTGCTCAACTCCGTAAACGAGCAAAATCGTCCACTAACTCCCAAAATG
CAGCCGATTCAATTACAAAAGTTCAATCTCAAGAAAACGGCGGTGCAAAAGGCACTGGATTCCCTCGCCGACAC
TGGACGGATTTCTTCAAGGAGTATGGCAAGCAGAAGATATATATCGCTCGGCAAGACCAATTCAGATCCCC
AACAGCGAGGAAGTCTACTCAGATGAAGGAAGCAAACGCCAAACTGCAGAAACATCTAGACGAGCACAAAAA
GGCTATTAGCCAGGTTGAGGAAGAAATCCGAACATTGCAGTCAAACCTAACTCTGGAACAAATGCGGGAAAA
GGAAGTTATGCTCAGAAAGGAGGTTAAGGAATTGGAAGACAAATTAGAAGTATTGCGCAGAGGTGTAACGT
TGGTGAGCCCAGAAGACCGCAAAGCAATTGAGCAGATATACTCTGAGAAATTAAGCCAGTGCGCAAAGCGA
AAAAGGATGTTCAAAGATATATGGGATGCTATCACTGAGAACTCACCCAAGGATTTAAAGAAATTAAGGAA
GAACTTGGCATCGAATACGATGAAGATGTGGGCGTGAACCTGCAGTCATTTAGCGATATGTTACCACAAAATC
GAAAGAGGCCAGGGGTAAGTGAGTGACACCATAAACTGGGGCGTCCAACCTATAGTAAGTAAGAGCAGAAT
TATTTGCTTATATTACTTTTCTTATTCAATCCGTTTCGTAAAGGCCAAATACATGTAGAGTCTGTCTGCCTAAAG
CTTTGCTTTTGATCACGGATACTACCAAATTGCTTCCGTTGATTCATCCCAAGTTGAAGGCAACATTTATTT
ACTAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12398DQ657221|Austrobaileya scandens class III HD-Zip protein HDZ32A gene, partial cds

ATAATATCCACTTTTTCTACCAACAAAACACACATACACAACACATACACACTTCATCTTCTTCTCCAATTAAA
GATTGAACAGAAAGAAAAAATAAAAAAACCATGGATCAAAATGGAGTAGTTCAATTCCAACACCAAAGACA
AGCATAGGAGATCAAAAGAAGATGAAACCCACCTCTCATCCAACACTAAAAAGGTAACAAAATTACTTTTTT
CACTCTCTCTTCTCTTCTTCTTCACTAACCTTCCATTTCACTTCCATATCTCTCTCCATTTCTTCAACCAACCAA
TTGACAAAAACTCCATGTTCTCTTTGTAACGCCCTCTCGTTTTCTTGCAAATTAACCGGTCTCTTCAAATC
CCTCTCTTCTTCCCCAAACATCTCGACACCAATTTCCGATTCTTCGACTTCGGCCTCGACCTTCTCAGAAGCC

GTCATCGACTCACTCTGAAACTCCAGAAGAAAAGAAAGATGACGCACAACAAAACACACCAAGTTTTGAACAA
CAAGAAGAAGAAGAAGCGTTAGGGGAAAGGCTTTTTGGAAGTGAAACAGGGGAAGTTGTAGAGATGATTCA
AGCAGAAGAAGAAGAAGACGACGAAGAAGAAGAAGGGAATTGTGGAGTGATGAGTGATGAAGAACTC
AATAGAAAAGTTTGATGAATTCATCAAAAGAATGAAGGAAGAAATCATTCTAGATGATGCTCCAAGAACTCTAG
TTGTTGTTTGATTATTATTATTACTACTTAGTTTTAGGCTAAATTACAAAATCAAAATTTAAATTTAAATATT
TTAAATAAACTTCCCTAATTGTTTTTAAATATTTTTATTTTTTAAAAGGTGCAATAATTTACTTTTGACCTTTCA
TGAACATTAGACTGAATTTGAAATTTGAATCAGTGTTGTCATGGGTGTTTAAGTTCTAAATTTTAGTTTTAGGT
CATTGCTATACACTGTTTCCA

>trans_s_12399AF492818|Phaseolus vulgaris cyclic nucleotide-gated channel C (CNGC-C) mRNA,
partial cds

AAAAAATGGATGAACAATTGTTGGATGCGATGTGTGACCGTCTCAAGCCAGTACTATATACAGAGGAAAGCT
ACATCGTTAGGGAAGGAGATCCAGTAGACGAGATGATTTTCATTATGCGAGGCAAGCTATTGTCTGTAACAC
GAATGGGGGCAGAACTGGTTTCTTAATTCTGAACATCTTAAGGCGGGTGATTTCTGTGGTGAAGAGTTACTG
ACATGGGCTCTGGATCCACACTCCTCATCTAACCTGCCAATTTCAACGAGAACTGTTGGAACACTTTCAGAAGT
CGAAGCATTTGCTTTGAAGGCTGATGACTTGAAGTTTGTAGCCTCACAGTTCCGAAGACTTCACAGCAAGCAG
CTGCGACACACTTTGAGACTTTATTCGAGCAATGGAGGACATGGGCAGCATGTTTTATACAAGCAGCATGGC
GCCGATACCGCAGGAAGAAGCATGAACAGACTCTCTTGAAGAAGAAAACAGGTTAAAAGATGCATTGGCCA
AGACAGGTGGGAGTTCTCCTAGTTTAGGTGCCACCATCTATGCATCTAGATTTGCAGCTAACATCCTTAGAACG
ATTTCGACGGACAAGCTCACGGAAGGCCAGGATTCCAGAGAGAATACCACCAATGTTGCTTCAGAAACCAGCA
GAACCAGATTTTACCTCTGAAGAGAATAGTTGATAGAGCAAAGGAATTCCTTGTATACAAAAAACTGTATGTC
TATTCTATGCATCGTTCTTATTTTATAATATTGGAACGAGAGAATCTTACTGCCATGGTGTGTTTGCTTAAACAC
CATTGTATCATTAAATAGCTTTGATTGATGGCAAAAGATTTCAACCAGAGATCACTTAAGCAGGATCCAGGAAA
CGGTCATTGCCTAAAAAATAAGTTTATCTGGATCACTGATGGATGCCTATTTGCCGATCTCGTGCCATTGAGTT
CGTTATGCATTCAAGATCAAGATTTTGTGATATT

>trans_s_12400NM_100494|Arabidopsis thaliana GLX2-4 (glyoxalase 2-4); hydrolase/
hydroxyacylglutathione hydrolase/ zinc ion binding (GLX2-4) mRNA, complete cds

TCTTCACATAATAATTACGATTTGAGTGCCAACTGCCCTCTCCCCTCCCCTCCTCTCCTCTCCACCGCTCTTTCTCT
CTCCGATCTCACGTCTTCTCTCCGCCGGAGAAGAAGAAGTAGAAGAATATGCAGATGATGCTCTCCAAGGCC
TCCTCTGCCATGGCCTCTTTACCTTGCACTAGGGTTAGAAGCGTATGTGTTGGCCGAGTGTGAAACAGCTTTC
TTTTAGAAAAGACCTTTTATATGGGGTTATGCGACTTTTATCTACTCCGTTGAAAACATTGCGTGAGCTAGTC
GTTTCGCTTAAAGTTGCTCAGTTTTGCAGTGTTGTCAACATGTCTTCCACTTTGCAAATTGAACTGGTTCCTTGTC
TTCGCGACAACCTATGCATACCTCTTACATGATGTTGATACCGGCACAGTTGGTGTTGTTGATCCATCTGAAGCT
CTACCAGTTATAGATGCTTTAAGCAAGAAGAAGCAAGAAATTTGACATATATACTCAATACTCATCATCATGA
TCACACTGGTGGCAACGAAGAATTAAGCAAGGTATGGAGCAAAGGTAATTGGGTCTGGAATAGACAGCG
ATAGAATTCCTGGAATTGACATAAGTTTAAAGATGGAGACAAGTGATGTTTGCTGGCCATGAAGTGCATGT
AATGGAAACACCTGGTCATACTCGAGGTCATATTAGTTTCTACTTTCCTGGATCCGCAGCAATATTTACTGGAG
ATACTTTATTCAGCTTATCTTGTTGGCAAGCTTTTTGAAGGAACTCCTGAACAGATGCTATCTTCCCTTAAAAAGA
TCACTTCTTTGCCAGATGACACAAACATATTTGCGGTACGAATATACTCTGAGTAACTCTAAGTTTGCTTTGT
CCATTGAACCTAAGAACGAGGCTCTCAATCTTATGCAACCCAGGTTGCTAATCTACGAAGCAAGGGCTTGCA
ACGATTCCAACAACATTAAAGAT

>trans_s_12401NM_112954|Arabidopsis thaliana UBP14 (UBIQUITIN-SPECIFIC PROTEASE 14);
ubiquitin-specific protease (UBP14) mRNA, complete cds

TCTTAGTCAAATGCGTAGTAAAGGACCTCAGGCTGGGGAAGAGCTTTTGCCCGAGGCTGATCCTGAGGACGA
GTTTCAGTCAAGTAGACCTTCAGCCAACGATGATATTGTTGCTCAACTTGTGTCAATGGGATTTAACCATCTTC
ACTGTCAGAAAGCTGCCATTAATACCTCAGACGCTGGAGTTGAAGAGGCTATGAATTGGTTACTTTCTCACAT
GGATGATCCAGATATAAATGATCCAATCTCCAGAAGGCAGATTATATTGTTGATCAAACAAAAGTGGATATG
TTGCTTCAGTTTGGTTTTCAAGAAGCCATTGCTAAGAAAGCATTAAAGGCATCTGGTGGTGACATTGAGAAAG
CGACAGATTGGATATTTAACAATCCTGAAGCTTCTATATCATCAGAACCAGACTGTTTGGACGCCACTACATCA
AGCACACCAACTAACGTCGATGCCGGGCTACCTGATGGTGGAGAGAGATATAAACTGATGGGAATAATAAGC
CACATTGGGACTTCTACTCAATGCGGTCACTATGTTGCGCACATCTTTAAAGATGGTAGATGGGTTATTTTCAA
TGACGACAAAGTTGGGGTTTCGGTTAACCCCCCAAGGACATGGGATATTTATATTTCTTTGAAAGACTCAAA
GAGTAGACAGCGGATTTGTTGCAGAAAAGAACTCAAGCTTTTGAACTTCACCCAAATATGGTAAGAACTGA
GCCAGGGAGAAAAAGGAAAAAAATCACTCAATTGACAGATACACCAGCTTTGGTGGCGATGATCGATCCAAAC
TGAACCGTGCAATGCCTCTAATTATGATGCAAGATTTTGTGAAAAACGGTGGCTTGTGGGACTGGTTTTGTT
GCTGTAATGGATGGCTATTCTATATTGGGTGCCCCGTCTCCCTTCCCCCTACAAGAAATTTTATATACAATT
GTTTCCATGGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12402NM_001051542|Oryza sativa Japonica Group Os01g0882300 (Os01g0882300)
mRNA, complete cds

TAAAAAAAAATTTTGGGGGAAAGATCTTCGTCTCTCTCTCTCCTGGTCGGCCTCCGATTCCGATCCAATCCCA
GAAGCGTCCCAGCTGTATCCAGTTTCACTTACCCACCGGCGGGACCTCTTTATAACCGCAGACATAAGAACCC
ATTTCTAGTTTCCACCGTTCTTCATTTTCAAACCTTCTATTTCCATTAACACCCATTTATCCTTTTGATCTTTACTTC
TCCTCGCCATGAATAAATACCCAGTTTTTTGAATTAGTTCATCGGTTTCTCAAGCATCTACTTTCTTCCTATGGC
GGCGGAGCCTCCAGTTGGCAAGAGGGTATGTCTCTGACAACGTAAAAGGCCTCGTACTTGCACTTTCTTCC
AGTTTCTTCATTGGTGGGAGCTTCATTGTCAAGAAGAAGGGCTTGAAGAAAGCTGGTGCTTCAGGAATCAGA
GCAGGAGCGGGCGGATTTACTTACTTATACGAGCCGTTGTGGTGGTTGGGCATGATAACAATGATTGTTGGA
GAAATTGCTAATTTCTAGCATACGCATTTGCACCAGCCTTATTAGTCACTCCTCTTGAGCTCTCAGCATAATA
ACCAAGTGCTGTTCTTGACATATCATTTTAGGGGAGAAGCTACATATTTTGGGGTCTTGTTGTATTCTATGT
GTGGTGGGCTCCATAACCATTGTTCTTCATGCACCTCAAGAACGTGAAATAGAATCCGTGACAGAAGTTTGGC
AAATGGCAATGGAGCCAGCTTTTCTTTGTATGCGACTCTGGTCATAACCTCTGCTATTATACTCATATTCCACT
TCATACCTCAATATGGCCGGACACACATAATGGTTTATATTGGAGTTTGTTCCCTTTTAGGTTCTTTATCGGTTA
TGGGTGTTAAAGCTCTTGGAATTGCCATGAAGTTGACACTATCTGGAGTAAATCAATTCGTTTATCCGCAAAC
TGCTTTTTGCTATAATC

>trans_s_12403NM_114912|Arabidopsis thaliana phosphoglycerate/bisphosphoglycerate mutase
family protein (AT3G50520) mRNA, complete cds

AAGTAAAAGAGAAGACAAATTGTGAATGGGCCTCTCTCCTCCTCATGAGCGCCGTGGGCTTCTTCAATCTTCT
TACAACTCCGGCGCCCATTTCTGCTTCCAATCCTCCGTTGCGATTCTCATTTCTCAGCGTCTAAAATCAACTTC
ATCTAACTGCAACATCTCGGATGCTTTCATTTTTACTACCCTCCAGACTCCATCACTCAGAACCGBAATCTCTTCC
ATGGCGGACTTCGATTATAGCTTTGTGAACCCAGCTGTTGCTGAAATTATCGTTGTAAGGCACGGTGAAACAG
CTTGGAATGCCGATGGGAGAATTCAGGGACACCTGGACGTTGAATTAATGAAGCTGGGCGACAGCAAGCT
GTTGCAATTGCTAATCGGCTGGCCAAGGAGCCTCCACTCTCTGCTGTCTACTCTTCTGACTTAAAAAGAGCTCT
TGAAACAGCACAGATAATTGCCACCACTTGTTGTAATCTTGAGGTTATTACAGATCCTGACTTGAGGGAAAGA
AATTTAGGAGATCTTCAAGGTCTTGTGTACCGTGAAGCAGTCCTAACAAACCCTGAAGCTTCTGAGGCTTTGA
GGTCTCACAGGTCAGACCAACAATTCCGGGTGGTGGAGAAAGCCTTGACCAACTTTATCAGCGTTGCACATC
GTCATTGCAAAAGATTGGAATAAGCATAGAGGGCAACGAGTAGTTGTAGTCTCTCATGGTGGTACGATCCG

>trans_s_12404XM_002869699|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RWP-RK domain-containing protein,
mRNA

>trans_s_12405XM_002893271|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata bet v I allergen family protein, mRNA

>trans_s_12406HM244408|Hevea brasiliensis isolate Reyan7-33-97 beta-hydroxyacyl-acyl carrier protein dehydratase mRNA, complete cds

TCAAATTC AATTTTCATAAATTCACATACCTTCGTTCTACCTTTTCCACTTCCTTAGAATTCTCCGCTTTTCTTTC
GCATCAATGGCTGCCACTTCCCATTCTCTTCTCCTTCACCAATTCTCAATGTCTCAACAAGGCCACTTGCCTTC
TTCCTCCCACCACTAACTCTAAATCCCTCTTCAGATCCCCCTCTCTCTTTTCGCTCCAAGTCTCTTCCCCTATC

CGCTGTTCTCTCAACAATGGCGACGATCCCATGAAAAAAGTTTTTCATCTTTTCTACTGTTATGGATATCAAT
GAGATTCGTAAAATCTTGCCTCACAGGTTTCCGATTCTTTTAGTAGATAGAGTTATTGAATACAATCCTGGAGT
CTCGGTTGTTGCTATTAAGAATGTCACTATAAATGAGAGTTTCTTCCAGGGCACTTCCCTGAGAGACCCATCA
TGCCTGGTGTTCATGGTTGAGGCAATGGCTCAAACCTGGCGGTATAGTTATGCTGCAACCAGATGTGGGAG
GCTCTCGTGAAAATTTCTTCTTGTGCGTATTGATAAAGTGAGGTTCCGAAAGCCCGTGATCGCAGGAGACAC
GTTGGTCATGCGAATGACTCTTGTCAAGTTGCAGAAGAAGTTTGAATTGCCAAAATGGAAGGGAAGGCATA
CGTTGGAGGGGATGTCGTCTGCGAAGGTGAGTTCTTGATGGCCATGGGCAAAGAAGAATAAAAAATTTCTCT
ACTATATCTGTCTTTATGATGCTCGACGTTTTGATTTGTTCTTATTTTTTTGGGATAAAAAATTTGAGAGTTAGG
ATTCTGCACATCTAGGAAGAACTGTTTGATACTATGCTTCACTATAGATCTGTGGATTTTATTGAAGCAGTAAT
CAATTTTATGGTCTTCTCTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAA
AAAAAATCAAATTTATGAAA

>trans_s_12407DQ074476|Malus x domestica MYBR5 mRNA, complete cds

TCATCTTCAATACTTACATGTCCGGGACCTGCTGGAGCTGCATCTTCTGGACAGTGAACCTCTGTCCAGCCACT
CAATTCATCTCAAGTGCCAACTGCAAATAATTGTTGCAGTAGTACTGAAAGCCCTTCAAAGCACGCCCTC
TTGTTGAAACAATTGATCAAGGAAGTAAATCATTCTCTTAGAGTTTTGCCAGATTTCTCACAGGTTTACAGATT
CATTGGCAGTGATTTGACCCAAATGCTTCAGGTCATCTGCAAAAGTTGAAGAGGATGGACCCAATTGATGTC
GAAACTGTTCTGCTGTTGATGAGAACTTATCCATCAATCTGATCAGTCCTGATTTTGAGGATCATAAGAAGTT
GCTTTCATCCTATGAGATCGATTGAGGCCAATTCGGCATGGCGATATGGATAAGCCCATCTATATTGATGATC
ATAAATCCAATTTGGTATCCAACCTAGTAGGCACGGGAGGAGGTGATAAGACAGTATGCTGCTATTCATGGGT
GCACCTCAGACAACACAACAAATGCTGACCCCGATGCTAATAAAGCAAGACCGACCCAAAACAGACAG
ATAACTTGCCCAAGTATGGATGCAATATTGTGGGGTTGCTTGCAATATATATAAATATTTTTTAAATGTGGTCT
GTTTATTTTGATGATGCATCTTATGTATATAACATAACCACCAAATCCTGTCCTGGCCTTTGTTGTATAGATGG
AGAGCCCTTGAAATAGTGCTGTATAGCCCTTGTTAGGTAGGGAAGCCCTGTATTCAAGTTTTGGCAGTTTATTT
GTAAACGGTTTTGTATAAACCTAAGCAATGCTTTTCTTTCTTTGCTTTTTTTTTTTGTGTTTTCCCTTTTG
AGTGGAAGGAATATACCCAATGGTCATTGCCTATTTGATGACTGTATGATCAAGTTATTATGGTTGGACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12408BT010656|Arabidopsis thaliana At4g13220 mRNA, complete cds

AATTCAATTCCATCGTCGTTTCAAATCATCCATTTAATGGCTTCTTCGTGTCTATTTCACAACTTCCCTTCAAT
TTCAGCACACCCTTTAACACGCCATAGAAATCCAACCTATTTCCCTCCATTCCCAGTTCTCCTTTGAATTCCTTA
AAACTCAAAAAACAATCTCAAATTGAAAAGCTAAGAGCTCGAGGTTCTCCTTCTTCCCTCTTGATATGCCGC
TCAGAACAAATTTCTTGAGAGTCTTTCAGACAGTTTGAAGATTGGGAAGGATGGAATTGAGGCAGGAACAGA
CCTAGTACCTGGCTCTGTACCAAGACCAATTGCAAGGATATCTGTTGGAATAGTTGCATTAGCAATTGGACTCT
TTTTGTTCAAGTCAATTTGTCTACAGCCTTATTTGTGCTGGCTATGATGGGAGCAATTTATTTTATATTTATAG
CGTTGAATAAAGATGAAGGGCCAAGAGGAGGTGGAGGCTCTTCTCCTCCTCCTCCTCAACCTCTACAGAAGA
AACTCTTGAAGAAGCCAGAAGAATAATGGAGAAGTACAAGTAGCAACACCTGCTGAAAGCCAGTGTCAAATA
CTCCGTAGGAATTTGGTATAAATCATTTCCCATAAATTTGTCAAATATCATAGTCACCCTAGTCTTGCCTCCCACC
AGGATATGAAGTTAATATTCGTCAACATACTAAAATTGCTTCAATCCAAATAATCCTAAGTTTTGTCTGCTT
TATAATTTTTTTGGGGTCACACACCGTACAAGAGGTTGCCATATTTGCTGGTATCTTGTCCAATTGAAGTTGTAA
ACACCATGAATTTGAGGACTACAAGTATAACGAATGCAATGCTCTTTTGTAAATTAAGATGCAAATCTATATTT
TTCTGGACCATACACTATGACCCATTTTATCTGCTGAAGAAGTGTCCAGATATCACATTTTGTAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12409AF346305|Elaeagnus umbellata S-adenosyl-L-methionine synthetase (SAMS1)
mRNA, complete cds

TCGAGCGCCGATTCTTCTTTAAGTCTCTCTGCTCTGAAAGTTCGCCTTCTCTCTTAACATCTCTATCCATTTTTCC
TCTTCCAGGTTGAGAGAATGGAGACCTTTCTATTTACTTCTGAGTCTGTGAACGAGGGTCACCCAGACAAGCTT
TGTGACCAGATCTCAGATGCAGTTCTAGATGCTTGCTTGCCCAAGATCCTGACAGCAAGGTTGCATGTGAAA
CCTGCACCAAGACCAACATGGTTATGGTTTTTGGAGAGATTACAACCAAGGCGGACGTAGACTACGAGAAAA
TCGTCCGAGACACTTGCCGTTCCATTGGATTCACTCTCGGATGATGTGGGTCTTGATGCCGATAACTGCAAGGT
CTTAGTCAACATCGAGCAGCAGAGCCCTGATATTGCTCAAGGTGTCCATGGCCATTTCTACTAAGCGACCTGAG
GAAATTGGTGCTGGTGACCAGGGTCACATGTTGCGCTATGCTACGGATGAGACCCCAAGATTGATGCCCTTA
GTCACGTCCTTGCTACTAAGCTCGGCGCTCGTCTACCGAGGTGAGGAAGAATGGTACTTGCCCATGGTTGAG
ACCTGACGGTAAGACCAAGTTACTGTGGAGTACTACAATGACAATGGTGCTATGGTCCCTGTTGAGTCCAC
ACAGTGCTCATCTCCACCCAGCATGATGAACTGTCACGAACGATGAGATTGCAGCTGATCTTAAGGAGCATG
TCATCAAGCCTGTAGTCCCTGAGAAGTACCTTGATGAGAAGACCATCTTCCACCTCAATCCCTCTGGTCGCTTT
GTCATTGGTGGCCACACGGAGATGCAGGTCTCACTGGTCGTAAGATCATCATCGACACATACGGTGGATGG
GGAGCTCACGGTGGAGGTGCTTTCTCTGGAAAGGACCAACCAAGGTGGACAGAAGTGGTGCTTACATTGTC
AGGCAGGCTGCCCTCTGTAACATCGTGCTG

>trans_s_12410AF375415|Arabidopsis thaliana F15M4.4/F15M4.4 mRNA, complete cds

CTTTAACATCTTCTCCAATGCCTACTATTACAGGCACCATATCCTTCAGGGATTCCAGCACCTGTTGCAGCACAGC
CACAGTTGCTTGTTCAATTCTCCTTCTCAGTTCGTACAAGGTAGCGGTTCTGACCAAACATCTGGGTGAGGAGTT
GATCAGGTATCAATAGATTGCAGCAGGACTTAGAGCAGCGGAAGTCTACTTGAGTGCGGGGCTTCGGATCT
AGCCTTGCAAATAATTTATCATGCATTCTAGAGGTCATAGTCATGCTCACCAGAGACATCAGGCGGTCTTGAGT
CGCTCCAGATGGTGGAGAAGGAATATGGAAGATGCAGGCTGCTCTCTAAATACTTTTCTTCTCCAGTGTTTA
TAACTTTTTTACACTACCAACCCTCTCACGGAAGGGTAGTCATGGATTGATTGATGGGTGCTTAAATCGGTTT
TAAGCATCTATTTAGGAATAAAAAACGTGTAAAAAGAAGTCAAATATAGAATCAACATATGATTCCTTTAATA
GTCAACTCCCGGCATTTTGGGTGTATAGGAAAGTCTCTGGTGCTTTGTGTGGTCATGGGTCTATCATCATCTGG
TACTAATATATGATTTTATAAGTTCATGTGCATATTAGTTCCTTAGGATTTATTGTAATTTGGAACCTTCATAATT
GGATTTCTTTTGAGGCCTGACTGACTTCATAACAACGAAGCAGCTTCGGGTTCAATCAGGAAGATCAAATTGC
TGATTTTTCATTTAATAACCCCTCGCTGGCATGGCAGTTTGGGATTGGCTGCACCAGAGGATGTAAAGTTTTTG
GTTCTTCCTTCACAGTGTGGACTATGGTTAGGTTTTGCGAACATTCTGTTTATTCATTGTGTTTGTGTGGTA
AGGCAACATTATTTTCATTTCCCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12411AB538233|Moss transformation vector pPHG-NMyc3 DNA, complete sequence

CACCAATTTGGTAAGTTTTCTTCTCCCTGTTCTTCTTTGTCAACCAAGTGGCTCTGTTAATGGCTTGGTGGATT
GTTTCTGTAATGACTCTTTACACATCTGCCACCATGTGCTATATCGTCGCGGTATCTGTACGTTTCTTGACAG
TGTGAAATATGTGTTCTTTTTTTTTTCTTTTTTCTGTGCTCTCTCGCTATTTTCCCGGAATTTTGTCCATTGA
GTTTAGACTGCTGTAAGATTTTGAGCGAAATGAGAACAGCAATTTGGTTCTAGCCACGAAAATATCCGATTG
TGCTCTTGAACCTTCATGAATCTTATTGTACAACTAACGCCGATCGACAGACCGAATATGAGATGGTTTTTGT
GCTATGGTTTCTACTTTCATTATGACTTCTCAGTGGTGTCTTTCAATCTTGCCAGTGCAGGTGTGATTTTCG
TTTGAATGAAGCAACATATATTATGAATATTATTGAATTGAGTTGTCTAAATACTTCATTCTTAGTTTTCTGTTA
ATGAGGTTGCTTATGAAATGTAATGTACATTGGGGGATTCTGTATGATGTGTTGGATTAAAAAATGTCTTAG
AGATGAATAGCTCAGGCTAGAGGATTATCGTTCCTACTTCCTTTTTGCGGTGGGCGATGTCTGAAATTGATTT
GGATGAATTTTGAATATAATTTTCTGTTGATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

GGCCGGCCCCCCCCGCCCTCAACAACTTATCCCTACCACCTACCGGGGGGGGCGGGCCCCCACCCATCCTC
CCTAGAGTGAGATTAATTACGCTCGCTGGCCGGCCGTCTTTTTCCACCGGCCTGGCAGGAACAAGCCTGTCCC
CACCTTACTTACCCTGCTTGCCATCCCCCCCCCTTTCGCCGGCTGGAGAACTAACAAACACGCCCCATCGATCT
TCCTTCCCAATGCTTGCC

>trans_s_12412NM_001067277|Oryza sativa Japonica Group Os07g0694800 (Os07g0694800)
mRNA, complete cds

TTTCAATATGGCTCTGCTGTTCTGTTTAACATTGAAGATCATGAAGTTGAAAGTTTTCTAGATTGGTCAGAAG
ACATGCTTCTGGTTTGCTTCCAGAAACAAAGAAGGATGATTATGCTGTGAAAGAGAAACCATATTTGGTCGAG
GATATGCAGGGAGGTCCCGATTACATTGTTCTCAAGAGTTTAGACACGGATAGTGTTTCGATTATTGGAAGTG
TGCTAGGTCAAAGCATTGCTTTGGACTACTTTGTATCACAGGTTGATAGTTGGTTGAAGAGTTTGCAGATATA
AATCGTAAATGGAGAAAACAGGAACATTCACTATGGATAAGAAAAAGCTCCTTCAACTTGTTGGAAAGGCC
AATTCAAATCTAGCAGATGTAATTCTCAAAGTTGGCCTTTTTGAGAGATCAGAAATTGCGTGGAGGGGATGCAA
AATATGCTCAAATATATGAGTACCTTCGGGAAGAGTACGAGGTCACCCAGCGCTTTGGAAATCTAGATTTCAA
ATTGAAGTTTGTGGAGCATAACATTCATTTCTTCAAGAAGTCCTCCAGAATAGGAAATCAGATCTCTTGGAAT
GGTGCATCATTGGCCTATTGAGCATTGAAAACATTATATCATTATATGAGATTGTTAAGGATTCAACTCCTATG
CAACTCTGAGTTGCCAGCGTAGCGGATGAAAATTTTGCTGTGCAATTAGTCAAGTCTAATTTTGTGTTTGTG
TACTAATTATTCTTTCATAAAGATAATAATCTTATTTTCTTATATTATTTTTTTTTTCGATCGTCCAACCTCAGCAT
ATTACATTATGCTCATGTTGTCATGTTGTTCTTACATTATTATATTATACAAATAGATGCGCATAAACATATAAA
TTTTGTAACCTGAAGAAAATTAAGTTGGAGAAATTCATTACTATTTTACCTTCTGGATTCTTGAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12413NM_001054125|Oryza sativa Japonica Group Os02g0651000 (Os02g0651000)
mRNA, complete cds

TCACTTGCACTTGCACTTGCACTCACCGTCGTTGCTGCCATTGACAAAGCAGAGAATGGATGCTCTGAGGGCTTC
GTATGGAGGAAGCTCGTCGGACGAAGAAGTGGATACAGTGTCCCTTCGTCAGCATCCACATCAACACCACA
ATTCTTCGATGAGACTGTGAGCTCTTACCTCTGCCTCCACCGCCTCTCTCACTTCTCAATTTCCAAATTCCACC
TGTGTCTTGGATGACTTGCCAATCGATCAGGCGACTAGGGTTCGAAGCTTTCCTCACGTTCAAGGAACTATG
CCCTACACGTCTATATCCAGTGTATGTACCAACTAATGCAAGGAAGGAGTGGCCTTGTTTATGAAGAAAAT
TTCCTCACTTGTGCCTGCTCTCCATCTGGTTGATATTGACATTCCATTGGACGTTTTATGTAAAGATGACCACAA
ACTTGAGCAAGCATTGGCTAGAGAATTTACATAAGTTTGTCAAGAACAGTGCCAATCCGAGTGCACCAGATT
GACTCAATAGTGACAATGCTTCGCCAGAAGCTTCAGTCCCCAAGGCGATATTGGATTGATTTAGTAAGTGGG
AGACTTTTGTAAACGATGATCTTTCTCGAACCTTTTTGTCAATGGAAATTATTACTGGAGGGCTAATGGAGATC
AGAAAACAAATCCAAGTTGTTAATGAGGTTTATAAGCTCCACAATCTTCTGAATTTACAAGGAAGCAAGAC
CGCATATATCTCTTGCTGGGCATTAGGTGACGTTAGTCAAATATCGAGTCAAGCAGTTCATAATGAATTAATA
AGGTCCGCAGTTAAGGAACCATTTAAGAGATGTATTTTACCACCAAATTTTATGGCATCGAATGTAAGATTG
GTAAAAAATGTATAAATATGTAAATTTGCTGACGAATGAAAAATGATTGTGTGAGACATGTTCTACAGTC
TAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12414NM_102375|Arabidopsis thaliana cytochrome B561 family protein (AT1G26100)
mRNA, complete cds

AATTCGGTGTACTCGACAGCAGAGGCACAGCCATTAATTGAAGTTCGCCATAGATTCAATTGTCGGCAGTTTTC
ATAGCCTGCCTACCACTGCACTCTTGGCTGAGCCAAAATCATTGAGCTGCAGGCCGCTTTCTCTGTCCCATG
GCTGCAGCATTGCCCTCACTGACCCCACTACTCATCTTTGCCAGAATCTTGGTCTGCTTGTTGCTGTTCTGGTC

TTCGTTTGGGCTTTTGTATTAGTTCCAGCTTCGGTCATCCCCCTCCCCGTGATGACCGTCTCTTCGATGTTCTG
CATCCTTTGTTTCATGGTAATTGGTCTCATTCTCCTCAGTGGAGAAGCAATTTTGGTTCATAGTTGGTTGCCTGGT
TCGAGAAATTTGAGGAAATCTGTTTCATCTGAGTCTTCAAGGGCTAGCTTTGGCTTCTGGGATTTCCGGAATTTG
GACCAAGTTTCATTGGGATCGTGGCTTTTTGGCTAATTTCCACAGTTTACATTCTTGATGGGTTTGGTTGTCAT
CACTTTGTTTGGGGCTCAGTGGATGATGGGGTCTGAGCTTCTGGCATTGGAGGGAGGTGAGGGCAACAAG
AGAAAGAGTGCTGCCATGGCATGTGTTTCTTGGTTTATACAGTTATGCATTGGCAGTGGTAACAGCAGAAACA
GGGCTTCTTGAGAAGTTGACATTGTTGCAACAAAGAGAAATGTACCTAGGAAGGGTCTGAAGCCATGGTA
GTGAACAGTCTAGGCTTGTCACTGGTTTTGCTTACTGGAATGGTGATGCTTATTGCTATATCTCTAAATATCCT
CCTTCCCTCCCCACCATCAAACAACAACAACCAATTTTTCTTAATTCAAAGCCCTTATCTTCTTAATTTTGT
GCCTCTTCTGCCATTTTCTTCTGTGCATTAGCCATAAATAAGAACTCTTCTTTTCTAGCGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12415BT004669|Arabidopsis thaliana At4g10262 gene, complete cds

AAGTTCGAAAACCGCAAACTTTGAGAATTGAAGGGAAAAAGGAAGACGAAAAGAATGAGTTCATCAAGAA
GGGCCTGGATTGTAGCCGCCAGTGTGGGCGTGGTGAAGCATTAAAGGATCAAGGAATTTGCCGATGGAAT
CACACCATTAGATCGGCACATCAATACGCTAGAAACCATGTCAGATCGGTGCCTCAGGCCACTAGATTGACTG
GCTCCTCCGCCGCCGTGGTTTCCAGCAAGCCACAGCAGAAGCAATCGGAAGAATCTTTGAGAACCGTCATGTA
TTTGAGCTGTTGGGGTCCCAATTAAGTCCCCTTTTGTTCAGATTTAGAGTCTGATACTAAAATCAGCCGCCG
CCAGAGAGGATCTCGGCGAGGCTTTATAATCCCTCTTGAACCACAGTGGGGTTGGGCGAAAAAATCGCCG
GTAGGGGATGTGTACTGTAACGATGTATATGAATTGGGTATTTGGTGTCAATGGAAATCATACAATTACCGGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCTCAAAAAGTTTATCAATCCC
GCCAACCCAGGGGGGGGCGGGGACCCCATTTCCCCTATAGGGGGTCAATTACGCGCGCTCACGGGCCGT
CTTTTTAAACGCCGGGAGGGGAAAAACCGGGGGTTCCCAATTTAATCCCTTGAACCACTTCCCCTTTTCC
CCGGTGGGGGAAAAAGCAAAAGGCCCCCCCCAATCCCCTTTCCAAACATTTGCCACCCGGAAGGGGAAAG
GGAACGCCCCCGGAAGGGGGCCATTAAAGCGGGGGGGGGGGGGGGGGTTACCCGAAGGGGGACCGTTACATT
TGCCAGCGCCCTAGCCCCGCTCTTTCTTTTTTTTCTTTCTTT

>trans_s_12416NM_179384|Arabidopsis thaliana interferon-related developmental regulator family
protein / IFRD protein family (SAT32) mRNA, complete cds

TGGCATTGATTTTTGAGATAGGCGTTTTGGAGAAGCTTTCTGCTGAACTAAAGGATCAACTGATGGCTCCAC
CCTAGAGGGGAAGTAAACCGCGGGAATGGTTTATACATATACAGGGACTGAAGGGAAAAATCATAAATCAAGT
AAAAAACCTCTCAATGGAAGCTGGTGGTAAGGGTTCTGCTAAGAAAGATCTCAACTCCAGCGGAATACATTT
CGCGATATTTGGAGTTTTTTGAGGATGGTTATTGCTCTGAACTTCAATGAAGATTGGAGGTGATCCGTTGC
AGACTTCGACATGGACTCAATTGATTCAAGTTGAACTTCGTAAAGCATTTTCTTGGGGGTAGATTTGTCAAGCAC
ATGCAGGAGAACGAATTCCTTCATGATGTCTTCGGATTCACTCCGAAGAAAAAGTTTCCCTCGGACAGCGAAC
ATCGGATATCAACCGCGGAAAAAAGGATGTTCAAGTCACCAATTCAATCGTCAATAAGGCAAGGACTCAG
CATTTGAACAAGCAGCGAATGTTAGTTGAGGGGAGAAACATTGGACACTATGCTGTAAACGTGGGAGAGTGA
GATGTAGGATTTTTATTTAATTGTCGAATTGAATTAGATATTGAGGAGAGGAGAGGAGAGGTGTTGTGTTGTT
AAAGGGAGGCTGGTTCGATCCTTCACTTCTTCTCTTGGTCTATTATCATCATCATATTTCAAAGATTGTAAAT
AGTAGGAATTATAATTACTCGCAGTTCAATATTCTCATGTTTTACTTCATAAGTGCTGACAATTCACACTTAATT
TCGATTTAGCATGTAATTCTCCGTTATTAGACTTGTTATTTTGTGAACCTTGGGCTTGAGGTTATTGGCATGTGC
CATGTTAAAGATGAGCCCTTAATAATAACTAATCATCTACATGCTTCAATACAAGCATTGTTCAAGTTTCGTAT
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12417NM_001123834|Arabidopsis thaliana NDF6 (NDH DEPENDENT FLOW 6) (NDF6)
mRNA, complete cds

ATCCTTTCTTTCTTCTTCATGCTCAATAAGATTCCAAAACCAACCCAGGTAATAGTTACCTGTTTCTATCTTTTC
TTCGACAACAATGGCTAAGGCTATTGCAGGCTTCAGCATTATCAAACCAACTCTGCATAGCTCAAATCTCCACC
CCAAATCAGCTCTCATCCACATTCAAACCTGCTTTCAAACCTCTGGAGGTTTCAGTCATCAAGAACTGCCTAAA
GTTGCAAAGCCAAAAAGGGGATCTCTAAGCAAAGTGAATGCCTTCCCCGATTGGCAATTGATGGCAGTTCTAG
TTGATCATTTGGATGGCCAAAGAGACCTTGTTACCCACAAATCCATAGTGCATCTTAGTGATGAAGCTATAAA
GAATGTCTACAGTCTTTACATCATGTTCCACATGTTGGGGTGTGTTGTTCTTTGGCTCCATGAAGGATCCATATTA
TGAATCAGAGGTGTACAGGAAAGATGGAGGAGATGGAACAGGACATTGGGTCTATGAAAAGCAAGAAGACA
TTGAAGAAGCAGCAAGAGCAGACCTATGGAGGGAGGAGCTGATAGAGGAGATTGAACAAAAGGTTGGAGG
ACTTAGAGAGTTGGAAGAAGCTGGAAGAAGAAATAAGAGGTTTTTGGGAATCATCCATTTACGTTCTTAATTTAT
TACAACATAAATCATTCTGTGTATATAATATTGAAACACTTGGGATTCTATAGCTGATGGGAATGTGACAGTTG
TAGTAAACAGCAGAAACAATCCAGAAAAACACAAGAAAATATCAGTTCTTGTGAAGAATTTGCCTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAATAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12418XM_002298603|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

AATATCGACAGCAACAATGCCAATGATCTTCCCACCCTGAAGTGGTATTTGGTTCTTGGCGCTTATGTTGTTG
CACCTGCCCTTGCTTTCTGCAACTCTACGGCACCGGTCTTACTGACTGGAATCTATCATCAACTTATGGGAAG
CTTGGTCTTTTTCTATTGCTTCTTTAGTCGGAGACAATGGCGGAGTTATTGCTGGACTAGCAGCTTGCGGTGT
TATGATGTCAATTGTTTCAACAGCTGCCGATCTTATGCAAGACTTCAAGACGGGTATCTTACTCTTTCTTCAGC
CAAGTCTATGTTTGTAAGTCAGCTAGTAGGGACAGCCATGGGCTGTGTGATTGCTCCCCTTACATTTTGTTAT
TTTGGAGCGCTTTTGATATCGGGTTACCTGATAGTCCATACAAAGCCCCTTATGCTGTAATATTTAGAGAAATG
GCCATCCTAGGTGTTGAGGGTTTTTCAGAGCTCCCCAAGCATTGTTTGGCCATGTGTTGTGGGTTTTTTGTGGC
AGCATTCTTAGTTAACCTTTTGAGGGATGTGGTTCCAAAGAAAATCGCACAATTCATCCCGATTCCGATGGCCA
TGGCTGTTCCATTTTACATTGGAGCTTACTTTGCTATCGATATGTTTGTGGGACTGTCATCCTCTTTATATGGG
AGCGGATTAATCGGAAGGATGCAGAGGATTATGCCGGTGCAGTTGCGTCGGGTTTGATATGTGGCGACGGA
ATATGGACAATTCTTCAGCAGTGCTATCAATTTTCAGGATTAATCCTCCCATTTGCATGTCATTCAACCCTACA
GTTGCCTGAGCTACATCATTGAAAGCTAGCTCACATTGTACACAATGAAATGAAACAAAGCTAGTGATTTATAT
TTTACTTTGTATATACAGTTCCTCGCCCTCAAATTCTAAGATAGTCTTTGCTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12419EU005232|Stenogyne rugosa flowering time control protein mRNA, partial cds

TAGGTTCCAGTCTTCCCAGCAGGCATTCTCTCAGCTACAACAGCAGTTGCAGCAGATACAACCACCAAATCAA
AGTTCAACATTGCAACCGAGTTCCCAGCCTATTAAGCAGCAGCCTCATTGGGCAGGGGTTGGGCCACATACAG
CTGCCAGTGCCACTTCTGCAACTTCAGATGCACATACATCTACAGTTCCTCCTGCAGCTAGAAATACCCAAGTT
GTAGCTCCTGTAAAATGCAATTGGACAGAGCACACTTCTCCTGATGGCTATAAAATACTATTATAACAGTGTTAC
TGGTGAGAGTAAGTGGGAGAGACCTGAAGAGCTTTCCGTGATTGAGCAACAACAACAAAAGCCACCAATACT
GCAGCCTCATAACCAGCCACATCCTCAACTGCTATCAACCCAGCAACTTTCTCAAACCTCCCCAACCAGCTTC
AAACTCAGTTCCAGACACAGTCCCCGATGCCTCACCCTCAGCCGCTGCTGCAACCTTCATTCCATTACAGGAA
GGTGCGTATACAAAATGCAGCCAACGAATAACTCAGTAAATGATCCTACTCGCTTCCATCAGGGATTTCCCG
CAACTCAAGAGTGGGCATGGAAGAATAAATAATCAGCAGGAACCTTGCAGTGGAACAATGCGATCTGCATGCA
TCTGCCATTCAAGTAGTGAAATGAAGATATAAGTTCTAAGGCAGAGAGTAACAGCTTTGTAAGGTACAAAAAC

CACAGATAAGATGAGCAATGCTTCAAAGGGAGTTTGTCTGCCACAAATTCTCTTTACTGTGAAATGATATTCTA
TTGCAGTTAATAGTGTGGCACCATAGAGAACATTTAAATGCATCGGCTTAGTTTAACACAATGCTATAAATGTA
TCATATTGCTTAAAATTCCTGTATTGCTCACAAACGTGTATGTACTTATAAATTAGTCTTTTGTGCAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12420AB588747|Vigna unguiculata VuEF1b mRNA for elongation factor 1 beta, complete
cds

AACTCCATCAGCGATCTGAGCGACCGGATTAGCTTACAAAATTGTTCTTGCTGTTTCTGAATTCGCTTTCAGG
ATAACAAAAAATGTCTAGAAGATATGATAGTCGAACAACAATATTCTCTCCAGAAGGCCGTCTTACCAGGTT
GAATATGCAATGGAGGCAATTGGAAATGCAGGTTCTGCAATTGGGATATTATCTAAAGATGGAGTTGTTTTGG
TAGGTGAAAAAAGGTAACCTCCAACTCCTACAGACCTCAACTTCCACAGAGAAGATGTACAACTTGATGA
TCATGTTGCATGTGCTGTGGCTGGAATAATGTCTGATGCAACATTTTGATCAACACTGCAAGAGTTCAAGCC
ATGCGATACACTTACGCTTACCAAGAGCCAATGCCTGTCGAGCAACTAGTTCAATCCCTTTGTGATACAAAGCA
AGGCTACACTCAGTTTGGCGGTCTACGTCCCTTCGGTGTTTCATTTCTGTTTGCAGGATGGGACAAAAATTACG
GCTTTCAACTATACATGAGTGACCCAAGTGGAACTATGGTGGTTGGAAAGCTGCTGCAATTGGTGCAACAA
CCAGGCAGCACAGTCAATGCTCAAACAAGATTACAAGGATGACATCAGTAGGGAAGAGGCCATCCAGCTTGC
ACTTAAGGTGCTTAGCAAAACCATGGACAGCACAAGTCTTACTTCAGAAAACTGAATTAGCTGAGGTTTTTC
TTTCACCTTCTGGCAATGTCAAGTATCAAGTGTGCTCACCTGAGTCTGTAAGCAAGTTGTTGGTGAAGTCCGGT
TTGACTCAGCCAACAGCTGAGGCTTCCTAAACACCTCTTAGTTGTTGGATTACTCCGTTGTGCTAGGTCTGGCA
TATTTTCATGAACCTTCATTTGACTCAAAGTGAACACTGGTATTTGGATATGTTGTTAGATTGTTGAGCTTATCTT
ATTTTACACCTTATAAAGG

>trans_s_12421AY052722|Arabidopsis thaliana At1g47640/F16N3_6 mRNA, complete cds

ATATCAAGGTGAGGGCTTGGCTGGATCGTGGTGGAGTAATTTTGAGAGAGAGCAAAGCAACGGCGGAATAG
AGAAAAAGGATGACGGTATTTTCACTTCTCAACTGTGCCATTCTCACTTTCGGTCCTCATGCTGTCTACTACTCT
GCAACCCCTTATCTGAGTATGATACACTAGGAACATCAGTCAAAGCTGCATTGTTTATCTGGGAACTGCCTT
AGTAAAGCTTGATGCCTTGCAACTTTTCTTAACGTCTCAGAGAATGACTCCTTTGACCCATATCAGGAAGTGT
GAAAGCGCTCATCGGTTTTATCGATGTCGCTGGACTTTACTTTGCTTTGACCCAGTTGACTTACCGAAATATAT
CTCAGAACCATAAGTTTCAGGCAGTTGGACTGGGTTGGGCGTTTCGCTGATTCTGTCTTGCATAGATTGGCACC
ACTTTGGGTTGGGGCCAGAGGACTGGAGTTTACTTGGGATTACATTTTGCAGGGTCTTGAAGCTAATGCAAAT
CTGGTGTTGAGCATATCTCTTGCTGCATTGGGATCTTTGATGTGGCTGAGGAAGAACAAGCCCAAGACTCTAA
TTCCCATATATATGTCTGTGCATTGATCGTAGCTACCATGCCATCCATCACAAGCTACTTAAGGCGAGGAATG
GGTTGGCATTTCCTAAAGGTGGTGGGATTGAGCTCTTACCTCTCTGGTGATGGCTTTTATTAGTTGGCAGCT
TTTCTCTGCTTGCCAGAGGCCCTCTGTTTAAGGGTCACCTCTCTACTACTGAGAGGATATATTGAGGCTGGAC
GTGAGTGACTTTTGGATATGAACCAACCTTCTTTTTTGAAGTGTTCCTGCTTGGTATTTTTCTTTTTTTTTT
TAATCATTTGCATATCATAGTGTGTTTGTAGTTTCAGATTTAGTTTTGGTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTGGGG
GACGCTTAGCT

>trans_s_12422AY079048|Lycopersicon esculentum ethylene-responsive protein kinase Le-CTR1
(ER50) gene, complete cds

ATGAAAGTTCCTTATATTTTCTTACCATGAAGAACAGAAGAGATATCAATACAGGTCCAGATACTTGTTTTGC
CCAGCATTTCCATATCCTTGGTAAACATGTTCAAGCTTGGACATTTCAACCAATCTCCTGTATTGTATATTGTG
TTTATCCTTCAAACAGTCACCTTATTCTCTGTTTCCTTATGAGCAAGTGAATGGGAATCTTGACCTGCTAT
AATCTTCAAAGGCCTTCCATCAACATTTTCATGCCTTTTTACTTTCAATTGTCATGGCATTCTCAGGGGCATTCAA

TGCCTTGATGCTTGCTACTAATAAGCCAAAAATTGCCAAGTTTTGCAGCTACTATTCTTTGGGATTTATGGCCTC
AGCTGTAGTTTTATTGTTTTGGGCTCTGTTTCAGACAGTTTTTAACCTGAGACAATGGCATGATTAAGATATGTT
TGGACGTTTCCCTACTTCGTTTCTTTCTCGACCATATTGGTTTCAGGGGGGAGCTTCTCGGACGTTTCCTATATC
AATAGAGTTCCTACAATCCAAGACTTGTTGTAACAAACAAAAGGGAATATTTGAATTATTTCCAATCCAAAA
CCTTGTGTTTTATCAAGTAAACAGAAAGACATTGACAAAAGAATGGAAATTCATTTTCTAGTTAGACAGAAG
AATCGCAATCCTTGGGAAGAATTTTTCTATAAGCTGGATTATTATTTCCACCTTAACTATGAGTTCATTGTTT
CTTTGATATTTCTGCTCCAGCACTTTATCCTAATAAAGTTTCGTCCAACCTCCTAGCCCTAGTATGGCTCAGTAA
GAAATGTCGCTTTTATCTCGGTGCGTTCTAACAGCTTAATATATTATTTCTGATCTAGCTATATGTTTCTCAAA
CCTAATTGTATATAACAAGAAGCCTCGCTATCAGAGGACGTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_12423AY050865|Arabidopsis thaliana At4g16490 mRNA sequence

AAAAGATTGAAGATTCCATACTAATTGCAACACTCATAAACAAAAACCAATATTACCTCTTTTCTTCCCATC
ACATTCCTTCTTCTCCGGCCATGAAAATTTCCCATAAACGAACTCTATATCAAAATCTTCTACTGCTTTTCAAC
TGAGATTTTGGAAATGGTGTGCTTGAAGATTCTCACTCCACTTCTAATCGTTTTCTTTGACCAGAAATTGTTA
TAGTCCATCCTCTACTACTTCCAGTAAAATCAGCAGGAACATTGGCCGTTCTATGCGTACTATTCGTTCTAATTT
CTTTCAAGATGATAATAGTTGTACCTTTAATGGCTCTGTGCTGCTAAATCCGTCTGTGTCTCTGAAAATCTCAC
TGATTCTGTCATCGACTTGAGACTTGGCGAGTTGGCATCGCGTAGCCCTAAATGGTCTAAGCAATCTTCTGAAC
AGGAACAGGATTTTCTTGAACCTTCTCATGCTTTCAGTGATTTCTCCGCTTGTAGTAGTGATATTTCTGGAGAAT
TGCAGAGACTTGCGAGTTTACCTTCTATGGCGGTTGTTCTCAACGAGAAGGTGAAGATGGTGACCCGGAGC
CTGAACCGTGTTTAGGCTTTTTACAGAGGGAGAATTTCTCTACTGAGATTATTGAGAGTATTTGCGCTGAAGAT
CTACAGCCGACTGTTAAGATCTGTATCGATGGGCTTCAATCTTCGTCAATTGCGGTGAAGCGATCTGCGGCGG
CTAAACTGAGGCTTCTGGCGAAGAATCGGTCTGATAATCGTGTACTCATTGGGGAGTCTGGGGCTGTTCTCTG
TTTAATTCCTTGTCTCGATCTACCGATCCATCGACACAAGAGCACGCTGTAACCTGCCTTGCTGAATCTCTCTCT
CCATGAGTCTAATAAAGTTATTATCACAAATGCTGGAGCCGTGAAGTCGCTGGTTTATGCGCTCNAACCGGT
ACGGAAACTT

>trans_s_12424NM_117049|Arabidopsis thaliana transporter-related (AT4G09810) mRNA,
complete cds

TTTTTTTTTTTTTACCTTCTTCGATTCCGACTCTATAAACCTATTCTTGTTGTTCTTCTGATCCCTTTCTCTGC
AGATTCTGGCTGAACTGGATCTAATTTAACATAATACTGGTTGAGCATCAAGATCAAGCACTTCAGGTTTTTTC
TTTTGAATGAAGATTGAGAGCTTGAAGTGCTGATTAATAAATCAAAGTTATAGATTACAATGTCTTCACCTGGCA
AGAGTGATCATAAGGCAACTCTTGATGCTGCCTCATGGATGTTCAATGTTGTCACGTCTGTTGGGATAATCATC
GTCAATAAGGCATTGATGGCCACATATGGATTGAGCTTTGCAACAACCTTAACTGGCCTTCATTTGCCACAAC
CTCCTTGCTGACTTTTTATTCTCAAGCAACTTGGTTATATCCAAGATTCTCACTTACCATTCTTGACATTCTTAAA
TTTGTTATATTTGCAAATTTCTCAATCGTGGGAATGAACGTCAGCTTGATGTGGAATTCTGTTGGGTTCTATCA
GATCGCAAAGCTGAGCATGATCCAGTATCTTGTTTTCTAGAAGTTGTGTTGGATAAGGTGCAATACTCGAGG
GACACAAAACCTAGCATTCTCTAGTTCTACTTGGTGTGAGTTTGTACTGTCACTGATGTTAGTGTCAACAT
GAAAGTTTTGTGGCTGCTGTAGTGGCAGTATGGAGCACTTCCTTGAGCAGTATTATGTACATCATCTACAA
CGAAAAATATTCTTGGATCCTTCAACTTATTAGGTCATACCGCTCCAGTGCAGGCTGCTTCTTGTGCTGTTACTT
GGCCCTTTTTCAGACTACTGGTTGACTGGAAAAAGAGTTGATGCCTACGGATTCACTTTTATGTCATTGGCGTT
CTTAATCCTTTCATGTACCATTGCGGTAGGGACAAATCTCAGCCAGTTCATATGCATAGGTAGATTCACTGCTG
TGACATTC

>trans_s_12425XM_002862211|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Ulp1 protease family protein, mRNA

TACGTATGAGTTTGTAGCAACAAAACCTTCACTGAAGGTTCTCCTCAGATCGGTTTCGGATTCAAAATCTTCG
GAGGTCTCTCAGAACTGGCTACCTGATCCAAAATGGGGAAGTTTGAAGGAGATGAGAAAATCCTAAGCTACA
ACGATGTTGTACTCAGAAAATCCGACTTGGAGATCCTTAGCGGGCCATACTTTCTGAACGATCGAATCATCGA
GTTCTATTTTAGCTATCTAAGCACTACCCATCCTTCCAACGACATTCTTCTATCTCCACCTTCAATTGCTTTTTGG
ATAATGAACTGCCCCGATGTCGAAAGTCTCAATGGTTTCTAGAACCTCTCAATCTACGCCACAAGAAGCTCGT
AATCTTCCCTGTCAACGACAACAGTGACGTTAGTAAACCTGAAGGTGGAACCACTGGAGTCTTCTTGCAATTT
ACAGAGAAGCAAACATATTTGTTTCATCATGATAGCAATAAAGGAATGAACAAGTACGATGCCAAGCGACTCTA
CAAAGCTGTGGCTAGATTTATGAATGATGGCTCGAATTCAACATCAAATCCAAGTTACATGGAATGCGTCGAG
TCTCCACAACAAGTAAATGGATACGATTGTGGTGTGTATGTTACAGCTATAGCAAGAAGCATATGCAAGTGGT
ATGAGGAAAGGAGAGAAGTTGAGAAAGATGGGTTGTGGTTTTTCAGCTGTGGTGGAGGAGATTAGTCCATTA
TTGGTTGCTAATATGCGTAAAGAAATTTTGGAGCTAATAAGAAAGTTAATGGCTGTGAAGGAATATCAACCGG
CTACTAAATAATAAATGTTGTTGTTCACTCGTTATATTGTTAATCTTTGCTTTACGGTCCATTTTAGGACTGG
ATTTGTGTTGACTAATGGAGATAATGGGTTTTGTCTAAATGATCGAATCAGTCTTAATTGCTTTGGGGTTAAAA
GATCTCTACAGCTCCTCATG

>trans_s_12426XM_002329592|Populus trichocarpa porin/voltage-dependent anion-selective channel protein, mRNA

AGAGGGAGGGGGCAGCCGACAGTCAACACCATAAGAGAGAGAGAGAACGACGGCGGTGGTGTTTTTTTGTT
CGGCGTTCACGGCGAAGCTCGACGGCGTCTTCGGCCATTACAGCGACGGGCGGCGACGGTGTGTGTTGGG
CAGTGTGTTGGGCATCAGTTTTTCGGGGTTTTTGGGTCACGGTCGACGGGGAGTGACGGCGCGTTCCGACGGC
TTTTGCAGCGTTGAGTTTACGACAGTTTTGAGCACC GTTGTGGTCAGTTCCGACGGGTTAAGGTCTCAGATTC
AGAGGGTATTCGCGGATCTCTCATATTCTTGCGTTTTGTGTTGACGGAACGTACGAACTTTGACTATTTCTGTGG
AATCATGGGCAGTTCTCCAGCGCCATTTTCAGATATTGGCAAAAAGGCCAAAGACCTCTTAACCAAAGACTAC
AACTTCGATCACAAGTTTACCCTGTTGCTACCGAACTCCGATGGAATGGGACTAACTGCCACCGGTTTGAAGC
GGGATCAAATTTTTATTGGTGATATCAGTACCCTGTACAAGAGTGGAAGACAACCGTGGATGTGAAAGTTG
ATACGTATTCAAACGTTTCTACAAAAGTGACCGTGACTGATATTTACCAACTACCAAGGCCACGCTTAGCTTC
AGAGTACCTGATCACAAGTCGGGCAAGCTGGATGTTCACTTCCACCCTCATGCAGCTATTGATTGAGTA
TTGGTCTCCACCCAGTCCACTTTTGAATTTTCAGCTGCAATCGGTAGCAAGAATTTTAGTTTAGGTGGTGAT
GTGGGATTTGATACTACTTCTGCTTCATTACAAAATACAATGCCGGAATCAGCTTGAATAAGTCAGACTTTTC
TGCGGCTCTTATGCTAACTGACAAAGGACAGGCTCTGAAGGCATCTTATATTCATTGATGATCCTCTTAATG
AGACTATGGTAGCGGCTGAAATGACTCACAAGTTCTCCACCTCTGAAAACCTTTACCATTGGAAGTTCTCAT
GTTCTGGATCCAGTTACGCTCATGAAAACACGATTCTCCGACAAAGGAAAAGCAGCTATGCTTTTCCAACGAG
AGTGGAGGCCAAAATCTTTGGTGACTCTGTCAGCTGAGTATGACTCAAAGCTATCGATTCTCTCCAAGAT
AGGCCTTGCTATTGCTCTGAAGCCTTGAGATCTAAGAACCAACAAAACCATTCAGTGAAAATTGACCATAA
CTTTGGTGTGATTATAATTTTTCCCAAAGCATTCAATATTCATTGTGGAATTTCAAAGTTTGTGTTGGAAGAGGA
GGTTTTCTTCATGTAATTCATGAGATATTATTTGAGGCATAACTAGGATTAGAAGAACCAATTTTGAAAAAG
AAAAAATCAAGGGTTTTGAGGAGCAACATTATTTGCTTGCAAGGCCCATGTTGCCATCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12427GU984010|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY5) mRNA, complete cds

CTAAATTACACTTCTCTCTCACACTCCAATCCTCTTCTCCAAATCCATGGCGGTCGATCTCGCAGCTTTTCCGGC
CATCTTCGACGATCAAACCGCCATTGAAGAAGCCGCCACCGCGGGCTTACAAAGCATGAACCATCTAATCCAT

CTCTTGCCAAACAACAACAACAACAATACCACTCCGAATCTCCTAATAACATCGATCTCAATTCTTCTCTT
CTCACCGATTTACCGTCTCCAAATTCAAACGATTGATTTCCCTTTTAAACCGAACCGGCCACGCTCGGTTCCGC
CGTGACCTTCCGATTCTCCTAATCCCCTTCTGAATCCCTCGATCCGCCTCAGAAAACCCATTTCTCTAACTTA
ATTTCTCCCCTGTTTCGAAAATCCCTGAGTCTAGAGATTCCACTACTACCTCTTCTTTTGTGTCTACGGTCACCG
GCGACGGTAGTGTTTCTAACGGTAAGCTTGATCTATCGGTCTATACGACGCCGCCTGCCAACGGCGGTAAACC
GCCGTTGGCGATGAAGAGGAAGTGTAATGATGTATCTGGATTTGGTTGTAAGGTTCCCTAATTCGAAGCTATGT
CACTGTGCAAAGCGAAGGAAATCTGGAATGAAGAAAAGTGTAAAGGTCCCGGCCGATAAGTTCTAAGATCGCT
GATATACCCTCCGATGAATACTCTTGAGAGAAAGTACGGCCAAAAACCCATCAAAGGCTCACCTTATCCTAGAG
GGTATTATAGATGTAGCACCATGAAAGGATGTCCGGCGAGAAAGAAGGTAGAAAGAGCTCGAGACGATCCA
ACGATGCTCCTCGTAACCTACGAGGGCGATACCGTCACCCGCACCCCTATGGTCGCCGACGCCAGCGTGGGTG
TCGTTTCCCAAAGAGTTAAAGAAAAAAGTGTGAGGAATCAAACGCTTTTACCGATTGGGCTGTGACGC
CGTTTCTGAAGATACCTGGTGACTCTAGAGTGAATTGTAAAGTCAAACTAGCCTCGGAGTTCACGAAGCAA
TCGCGTTGGTCCAAGTCAAACCCTCGTTCGGAATCTCAACGAGGTGGAAGGGTATCGATGTAATTTTGTTAAA
TGTATTATATTATACTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTTTTATTGAAAGCTAATTTGACCAACAAATATGGGGGT
CCCACATGGTTGGACTTTTTTTCTTTTTTACTTTTATTTTTTATTTTTATTTATATTCAATAAAACACAAAAATGT
TATACTTTTAATATATTGATGGTTGGAACTTCGGAAATTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_12428AY050469|Arabidopsis thaliana AT5g25080/T11H3_90 mRNA, complete cds

GTTTTGATAATTAAATAGCTTCCTTTGAAGTTGTTTTTCATAATTAAAGGAAGAAAAAACTCCACACACTGAG
ATCGGAAGAACATCGGCCAACTGCCGCCGTAACTTCCTCCAGTTCGAACCCAAAAGCCCTAACCGTCCGT
TTTCCCCTCTACGATTATCAATCACGACGGTTTGAGCTTCTCTCCGCCGTCGACATCTCCTTCTAAGAATTTGAA
TCTTGATCTTCGCTATCTCTTTGTGCCCTGATAGAGACGGAGTTTAAAATTGGGGTCAAATATGGAGGGAG
GTGTTTCGAGATTTCGCTGTTGTGCCGGAAGTATGATGGATTCCGGTGAAGACGACATTGGACAATGTAGAAC
ACGTCCAACTCACCTTATTTCTTCCTGTCTATCGCCGAGCCTGAAGTCCTTGCTCAAATGCAGCCTCTCCAAC
GGGCTCAGTCTATGCTTTTGCTTGCTAGAGTCACTACCACTCTCTTCGATTGAAGTTGAGGTGTAACGGAGTT
CATCTTGATGATCATCCTATCAAATCAGAGCTTGAAAGATTAAGCTTGTATGAAGACAACTAGAACGGTTTCAT
AGGCTTGAGTAAAGTTCCATTGAAGCGTTCTACTACCTTGAAGTATCAAGCAGCTACTCGCTTTATTGAACATT
CTCTGCCTGATCTAACTCAAGAGCAAAAGCTGAGTATGAGGGATATTAGTAGAGGAAAGGGGCAAAAAATGA
AGCAATTAGAGAGGAACGTACAGAAGAAGAGGAAGTATCAGTCTTCTGAAAAACAATCTGTTCAAACCTGCTG
CCAAGGAATTTCTTGAGAAAGCAGCGCGTGAGCTTCTGGTGATAGTAATGGAGGTTTGCAGGGTCCATTGT
GTGTGGGATGCTTCAGATGATGATGCCCTGCACGAAGACTGAATCCTGGATTTCACTTTGGAGTATGAAAACC
AGATTCTCTTGTCCTTAATTATCCCAATTCGCGAAGAATTGGCCCATTTTGAAGTTGGATTGGACGTCTGTT
TTTCCCCCTTTTCCCCTTCTCTCTCCAGTTTCTCCTTAGGAAATTAAATCGTTTTCCCTTTACTCTGTTTGAAC
CTTTATATATATGTGCATTTTGGAGTTCAATCCCATCATAATTTACTATTACGACATTGAATTGTTTTTGTTC
TTAATATTGTGATCATGTGAACGAGACATGATCTTGATCAAAGGAGTCTGTGCCTTTTACATGTAAAGTAGCTT
ACTTTGATAGCTGACTTTCTAGTGATTTTTGGGTCTGTATACCGATCATCATCTTGTTACTTGACACTTTTTT

>trans_s_12429AY166599|Oryza sativa (indica cultivar-group) ATP-dependent Clp protease ATP-
binding subunit precursor (CLPD1) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATAGTTGTTTAACTCTGAGATGGTTTTTTAAATAACGTTTCCATTTAAAAGGAATTGAGAACCCTTTGTTTATA
GGATTATTAGTGAACTGATCGGCAAGACTTTATGGTCTCACCGTCCCTGCTATTCACTTTATCTTTAACATTG
AGTTTGAGGTTTTTAAGACAGCTCTCCTGAAGCATTACACTCCCAAACAAAAGTTTGGTTCCGATGTCCACCCC
TTTGATTGAACCTCAAACCTCATAACTTGTCCTACTGCAGAGTTTAAAGCTGGCCACTTGAATATTACTG

ACAACATCTATTTAGCATTTGGATACTAAACGCACCATTGTGTCAGGAAGCAGCTATGCTGAGATTGGACATG
AGTGAATATATGGAGCGACATTCTGTGAGTAACTAATTGGATCGCCTCCAGGATATCTTGGCTATGGAGATG
GAGGAACATTAACAGAAGCAATAAGACGAAAGCCATTACCCTGGTATTGCTTGATGAGATAGAGAAAGCTC
ATCCTGATGTTTTCAACATCGTCTCCAGTTGTTGAAGATGGACATCTACAGATTCTCAGGGACGGAGAGTC
TCGTTTAAGAATGCATTGATAGTAATGACATCAAACATTGGTTCCACTTCAATCGTTAAGGGTAGACATCACTC
TATGGGTGGTTTCTTTCTTCAGAAGATGAGACATCAAGTTCATATGCAGGAATGAAAACCTTGTGACAGAG
GAACTCAAGGGGTATTTTCGTCTGAGTTGCTGAACCGAATAGATGAAATAGTCGTGTTCCAACCCCTTCAA
AGACACAGATGCTCGAGATCTTAAACCTAATGCTTCAAGAAATAAAGGAGAGGCTGATGCTGCTCAGGGTCG
ATCTGGAATTATCGGAATCAGTAATCGATCTCATTTGTCAAGTAGGGTATGACAAAGCTTATGGTGCAAGACC
TCTTAGGAGAGCAGTTACCATGATAGTTGAAGACCCCTTAAGTGAGGCATTGCTTTATGAAGATCCAAAGCCT
GGTGATACTTTTATTATAGATTTGGATTCTACAGGGAACCCCTTGTCAAAAACCAATCCAACACTGCATTTCCA
CTTGTGTTGACATAGAAAAAGAAATAGAGGAACTAAGTTTATCAATGATTAGAGCCGAATTGTATAGTAGTCT
ATATTTAGTGTATAGTTATGTCGATTTTTCGACAAATATTCTTTGAAAACGTTATACAGATTACAAACAATAACT
GTATATATTTTTCTTTTGCCAAACATAGTAAATAAGAGCAACTTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_12430AY062771|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g58220; MCK7.9) mRNA,
complete cds

AAACTTGATTAAGTTCCAAAATGCGACAAAATATACAAACGCCGCCACCGCCAGCGCAGCTGCAGATTTCAT
CTAACCAACACATCGGCTGTTGAGTGAGGCTTAGAGACTCCGACTGTAGAGAAGGAAGAGCGAGTAATCGG
TGGCAATAACGATGGCGTCGAATTATGATTTTGAGAGGAAGAGTTTCAGGCATGCTGTGGAAGCTCCAAAT
TCGCCAAAGAAATGGTTTCCGCTTCCCCTTTTTCTCCTTAGAACAAGCTATAGCTGCAGCTAGACACATCTGG
TTCAATCAGGTTGATGTGAGTGGTTGGTTGGAAGCATTCTCTGCTCATCCACGGATTGGTGGTCAAGTCTCCA
AATCATCCAATCAGACTAGTGCTCAATGGAGTAAGGGAGAACAGTCAACTGCAATGGCAACCGCGACTGGTT
CTAGCTTACAGGAGTTAGCAGAATGGAATATTCAGTATCAACAGAAGTTTGGTTTTGTTTTCTTATTTGTGCA
TCTGGAAGGAGCACTAGCGAGATTCTAGCGGAATTGAAGAAACGGTATCCAAATAGACCCATAGTTGAGTTT
GAGATTGCTGCTCAGGAGCAAATGAAGATAACAGAACTACGTCTTGCAAACTTTTTCTCAACCAACAAAATA
CCTCTTCAACCAGAGAGAGCCATCCTCCTCCGATTTTGCACGAAAAGTAGAAGAAGATCGTGTGAACGTTAT
TGGAGGGCATCTAGGTGCTACTTCTGAAGCTTCAACTGGGAAAACATCACAAATTTAACTCGAACTCGACCC
CCAATTACGACCCACGTGTTAGATGTTGCACGAGGATCTCCAGCTGCAGGTATTGACGTCTGTTTGAAAGAT
GGATCGGTACTCAACCACGCCCCATTATCGGTGAGGGCGATGTTGGGGGCTGGGCACTCGAAGGGACATCGG
CAACCGATAAAGATGGCAGAAGTGGGCAATTGTTGAGCATGGTTGAAGCTATAAATCCAGGAATTTACAGAA
TAAGTTTTAACACGGGAAAGTATTTCCCGCTGGGTCTTTCCCTACGTTTCCATTGTGTTGCAATCAGGGAA
TCCCAGAAGTTAGAACACTTTCATGTCCCTCTCTGCTTTACCATTTTCACTCTCCACATATCGTGGAAGCTAG
AAGTTTTCTGTGCATGTGACCATTTGCGGTGTTTCAGCAAAAGACGAATAAAGCAATGTCGATTGGTATCGAAT
GTTGTATAACACATAAAAAACCTCTTATGCAAATTATGTAATAAATATTAAGATATTATCTACAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12431NM_100148|Arabidopsis thaliana TAF13 (TBP-ASSOCIATED FACTOR 13); DNA
binding / RNA polymerase II transcription factor (TAF13) mRNA, complete cds

GCCGAACCAAACCTCGCCCTCTCACGATCGACGACGCATACCTTCCCTCTCTCGGCTGCCGTTCAACCGAC
GACGACGTCACTTCAACATCTAAGGAGAAGCTACTGCTGACTCTTTCGTAGTCACTCCCGGCCGCCGTTGCTTA
TTTCAGACGGCTTTCTCTCGGCTTCATTTGAGCTCTCATCGTCGTCATTTCCGATTTCTTCATACTTGTTCTTTCCA
TTGTCTTCTTGCTTACTGCTCCAATTCTCCATCTCCGATTATTTTCGTTTTTCATTATTGTGGGAAGATAGTAAAGA

TGAATAATTCATCTGCTGGGTCGTCCTCAAAGCAAAGAACTGGATCGTCTCAGCCCTCTGAAACCTCTTTTAAG
CGCAAAAGAGGGGTTTTTCAGAAAGAATTGCAGCACATGATGTATGGTTTTGGAGATGACCCTAATCCCCTTC
CAGAATCCGTAGCACTTATGGAGGACATAGTTGTGGAGTACATCACTGAACTGGTGTATAAAGCCCAGGAAA
TTGGATCAAAGAGAGGAAAGCTATCAGTAGAAGACTTTTTGTATTTAATGCGAAAGGACCCACGCAAACCTGA
ACCGTTCAACTGAACTGTTGTCGATGAACGAAGAGCTGAAACAGGCAAGGAGAGCTTTTGAGATAGATGAAG
ATAAGCTGAAAAAGGCTTTTGAAGAGGAAGACAAGATGGATTAGTAATCATTGGAAGATATTTTGGAGGTCA
TATGTCATTGTTGCTGTACAGACAAAGTATGTCTCATTATGGTTCCTTGCATATAAAAAAGTCACCGCGACGCG
TCTTAGAACTCTGTCTTTGTCATCCTTTTTAGACAGGGCAAAGCAAAGCAATTAGCGTTAACAAGGTATATT
TTGTTTTTTCTGCTTAATGGCAATTAATGTACCTGCTTAATGGCAACTTATACGTATAAAGGGTGGGGGCTCC
CTATTGTACACGCAACCCCTTTTGAATTAATGAAATGAACGCCTCTTTTGAACGTTTGTAGCCTTAGTATATTGC
TTCATTCAATATGTTAAGAGTTTTCTGACTGGGGCCTATCTTGGAGCAAACAACCTTATGTGGCTATCTAATTGA
GATCAAATCTGATTGTTTCTTAGAATGTCTTTCAAATAGTATAAGTTACTCTTGTGTACATGGTGTCCGTAAAT
TGTTAAAAGTATTTAGTAAGTTTTGAACTTTGAGTTTCTAAATAGGTTTGGTATAACTCTGAAATCTTTAAAA
ATCTGAAGATCGTATCATTTTAAATTTGGTGAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12432AJ875407| Glycine max mRNA for N-rich protein (nrp gene)

GGGCTGCCGCTTTTCTCTATAATTACTCTACACACCAACTTCATGGAGTTTTTGAGGTTAGAATTATAAGTAAC
GATTTAAATACTAAACTTTGGTTTATAATTAATTAGTAAGCAATTAATGGTTAAAGTATTTTGTGAGGATGATT
AATAAAATGAAATAATGTCAGGCTGCAAGCTTTGGAGGGACAAACATTGATCCGACGGCTTGGGAGGACAA
GAAATGCCCCGAGAGTCCCGTTTCCCTGCTCAGGTATATATCATCTTATTATTAATATAATGTTCAAAAGTTCT
TTGAGTTTAAATTGTTCTTAAACTTTTCAATTTTCTCTATATAATTAGACTTTCATCTTGTAATTTTCAATCATT
ATCGATGGAAATGTGTAGGTGAGAGTAATAACAAGACAAATATGCGAGCCATTGGAAGAGGACTCGTTTAGG
CCAATCTTCACCACTATGATGGCCCTAAATTCGACTTGAGCTCAGTGTTCCGGAGGCTATTTCTCTCCTTGAT
GTTCTTTCTCACCCAAATTCTTAACTTTACAACGATTACTTGACTTTAGCTACTTACGACAATAAATCTTCATGT
AAATACTTATAAATCTTCTCTATGACATGATATCATATATGTAATATTGTTCAAGATGGGGAAGAAAAATTA
TAGATCACACAGTTTTTGTATCTTATGCATAAATAATAGTACTCGAATTTTGAATTAATAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCCAA
AAATTTTTTAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGGGCCCCCCCCCTTCCCCCTAAAGGGGGGAAATAAACGGC
CCCCCGGGGGCCTTTTTTAAACGGGGGGGGGAAAAAACGGGGGTTTCCCAAATAAACCCCTTGGC
AACCCCCCTTTTCCCCGGGGGAAAAAATAAACCCCCCCCCCCCCCCCCCAATTTTCCCCC
CTAAGGGGGGAAAAGGGCCCCCCCCCTGACCCCCCTTAAAGGGGGGGGGGGGGGGGGTTTCCCCAAGGG
GGCCCTCATTTTGGGGCGCCCCCTGGGCCCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCCAGGGTCGGGGT
TTTTCCCCAAAAAAGGGGGGCCCTTTTGGGGGTCAAATTTTGGTTTCGGGCCCCCCCCCCCCCA
AA

>trans_s_12433NM_001052776| Oryza sativa Japonica Group Os02g0204000 (Os02g0204000)
mRNA, complete cds

ATTGAGATCATAATTTCTATTTATTCTGACCGTAGCTGTAGAGTTGACGGCAAAGTTAAACCGACGACCTATG
CAGTCCAGCTCCGATCTTCTCCAATCCCTGACTCCGTTTCAATTTTATGATCGGATTTCGGGTTCTTCCAA
TTCCTGGAATTAACCGAAAGCACAGTGAAAGAATTGGCTGCACGCAAGTTCGTTTCAAGATCGATAAACATGGT
GACCGACATACTTCTTCAAATTGCTCTCATCTCGTAATGGTTGTCATGTTCTCGCTATGCACAACATTCCACA
GAGATACTTCGCCAAGCTCCGATTGCGCTCCGATCCAACGTCGAATCTAAACGCCACTTCGTGAGAGGCGCT
CAGCTTCTCGCTCGAGCGAGATCTGCTCCGTCGCGCTCCTCGGCCACATCGTTAGCAGAAGAAGTCGTAGCGG

AAGCCAATAAGGCCATAGCTCTCGACCCCAAGGATGCCGCCGCTCACATCCTCAAAGCTTTGGCTCTCGACGT
TCAAGGGTTCAAAACCTCTGCTCTGGAATCGCTCGATACAGCTCTATCGCCGCTCGTCGCTAAGTCGCTCAGCG
ATGAAGAACGAGGCGACGCGTTGTTCAAGCGAGCTGAGTTGAAGATGTCCACGAATCGACGAGCCCTAGTTG
ACTCGGCTTTGGCTGATTTGACCGAGTCCGTGACACTGAGTCAGAATGCAAATTCCTACTATTGGTTGGGGAA
ATGCTATGAGATGAAGAAATTGAGAGAAGAGGCCAAGAAAGCATATGAAGAAGCTTTGAACATCGAACCAC
GATTATCCAACGCTAGGGAGGCATTGGAACGTCTATCATCGTCGTAATCAAGCTGATGTCTACTGTGATCTAT
GGAATTTCAACGCTAGAAGATAAGAGCATCTCTCAATTTTTCCAGGTCCAAATATCTCCTCCACTTTCGCTGATT
CTTGCTAATGCCTTCCCTTAAGATGTATTACGATTGAGATGCTGAATTGGCTTGTGAGATGAAATCCTAGATGC
GATTCCCATCTCCATGATAGGCGTTTGAATGGGGTTTAATATTTGCTTAGTTTCCTTGTCTTTGATTTAGTCTGT
TGATTTACCGTAGTTTTAGTCAAAATTAGGGATTGGAACAAACCCAGAAAGGAAATTAGTAATTAGCACGGTT
AATCTTCGATGTAGCTTCGCTTCTCTGATCTTCAAGAAATGAAATTCGGAAGTTGTCAAGACGTTTATCTGATTG
TGATTTTTGTAGGAAGACGACCCAAATTTGGCTTCAAATGTCAAATGAGTAATGAAAAATAATATTTTGCTTGC
AGT

>trans_s_12434BT024916|Arabidopsis thaliana At5g47870 mRNA, complete cds

AGGGGAAGAAAAGTTAGCTGCCGTTTCAAGTTGGAAAGAGGAACCTAAGCCGCCGTGCCAATTTTTGATCAA
GAACTGCATCCAACCTGTCTCCGCGACGTTAAATCAAGATCTATCGAAAAAAGCTCCAAACGTGAGTGGAT
CAAATCGGATCTGAAATCCGAAAATTATCAGGAGAAAAATATTTTCAGCGTGGGTGCATAAATTGAAAGTATG
TTAAATCTTGGAGTCACTCTTGAAGGCATTCTTGTGCTAGAAAGCTACCTTTGTTTCTGCTTTATCGACTCAGA
ATTGTGCTCTTTGCCTTCTTTCACGATTGTTGATTTTTTCACTAGTGTGGATCACTGTCCATGTCACCAACCGCTC
AAATTGAATGCTCTGATTCTAAATTTATGTCATTTAATAGTTGGAAAACACCTTGCATATTTGCAAGAGAGTTG
AGTTTAACTTAACTCATCATTGGTTGCCCTGCTATCCTTCATTGCTATTATGGCTCTCCAAACGTATGCTCATTC
CCACCTCTTAGGACCTCACCCCACTGCCTTATCCTCCATACACTCTTCTACTCAACTAGTGAGATCCGACTCCCT
CTAACTTCTACCACCTCAAGACGACCCCATCTTCGTCTTGTGTTGCTCCAGCAGTGATGCTAATAGTAGTAAGAA
GGGAGTACCGAATTCCAACATGTTGTTCCACTCAACAAATCTTTTTCCCAGCTAACTCATCTTGCATCACTCG
ACCCCTTGCTGAGATCCTCCGCGATCTAAACAAGAGAATCCCCGATAACATCGCTCAGAAAGCGCCTCATTCTG
ACACACATGATCGTTCTCCACCACTTTTCATCCCTGGGTTTCATGCTAATAGGATGTTAAGTTTCTATGCCCTG
GATGGTGTGGAGAGATACGAGATGTCATATTTCTGACAATGGTAGTGTAAGTGTGCTTTATCGTGTGACTGT
TCGAGGATCGGATGGAGAGGCACATCGTGAATCGACAGGAACTGTATCGGCTACTGATAGCAATATTGAGGA
TCCTGTAGCTGCTGCAGAGGAAATAGCTTTTTGCAAGGCTTGTGCAAGATTGGCCTCGGTTTGTATCTCTATC
ATGAAGAATGAATGAAGCAACAACAGAATAATGCCAAGCTTCCGACGTGTAATAAAGTTTTTCGTTTCAATA
TTTTGTAGAAATGAGTATAATCTTGGCCTTGACACTTGAGAGGTGTACAATAGTAGTTTTAGATGATTCCGTGG
AGCTTGAACCTTAGCAAAGTCATGTGTGGATACTTCCATACTATGTTGCTGATTTATATCTTTTCGATT

>trans_s_12435BT024614|Arabidopsis thaliana At4g26550 mRNA, complete cds

ATAATTTGGGTGATTGGTGTGTTGCCTTTTCCCTTCGTTTTGAAGGCTTCGTCTACACTTGCTTCGAGAAAACAAC
CAAAATCGTTCGCTATCACAACCAATTTCAAATCCCAAATCAAAGTGCAACGCTTGAACCTTTTTCTCAAATAA
TTTGAACCTCGTTGTGGAAGGGGCTGTTTGTCTGCCGAGAAAACGATGCAGAAAATGGCGCAGGGTTGGTTC
ACGCAAGGAGGTAGTAGTGGCAGTGATAATCAACTCAAACTTCTCTTCGTTGCTCGCCGATTGGAACCTCTT
ACGCAGAATCACAAGCTGCTGATGATAGCACCTTCAATATGGGAATTGGATTGGATCTCGAAAGTGCTGTAG
GTCCGCCAATGAACTGTTTCGGGAACCTTCAACGTGGTTTCTAAAGGAGTGAGAGAACTTCTGGAAACTTC
CAATCTGCCACTAGCAATGTTCCCTCAGGAAAAGCCCTTATGTATTTGGTTTGTCTAGCAACTGGGGTTTTTC
TTATTTTCATTGCGTTTACAATGTTCCCTTCTGTGATGTTCTGATGCCTCAAAAGTTTGCCATCTGCTTTACGC
TTGGATGTTGCTTCATCATTGGATCCTTTTTTGTCTCAAGGGTCCGAAGAATCAGCTTGACATATGTTCTCAA

AAGAGAGACTTCCTTTTACAGTGATCTTTATTGGTAGTATGTTGGGCACCTTATATGTTTCCATGGGCCTCCAC
AGCTATATTCTGTCAGTTTTCTTCTGTATTACAGGTTCTTGCACTTGCACTATGCTGTTTCATATTTCCCTG
GAGGGTCTACTGGGATGAAGTTTCTGTCATCTGCTCTTACGTCTTCGGTAATGAAATGTTTCGGCAGGTGATCT
CAACTCCACTGTAGCGTTCAGTTGGTGTACTGCACATTTCTCTCCGATTAGAGATCTATGTTAAAGTTCGTAA
AGTTTTGGAATTGCTGAATGTACAAACCAAAGTATTAACAACAGGCACCATTTTTCTGTATTCCGATTTGGTT
GTTTCATCCCCATCCTCACATTGACTGAGCTATTTAGCAACTGTAGAGAGTTCAATTAATGGGGAGAAAGAGTT
GTGAAGGCTTTAGGGCATTAAATGTTGCTATTTGCTACCAATGCCATCACAATTTGAGGGCAATAGAGAATGAA
ATTAGTTTACTTTTTTGTTTTGAAAAATAGATTACTTCATCCAGCTTACTTATTATATATTGTCCATTCTGCGTT
AAAAGGCTACCACGCTCTCATTATATTATATCATCGGTATATTTGAATTGCAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12436AY062812|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g33780; F14M2.10) mRNA,
complete cds

TTACCTTAAGTGTAGCTGCTCATTGTTTGGCTTTCAATCTTCAATATATATCGCCTAAATATTCTCTCTATTTTCT
TCTTCTTACTCCTCTGGATTGGATCATCGTTTCCGACGCTTCTTCCACCAAAAAAATCCCTTTCGGATATGGA
TCTCTTTGCTGCCAATGTCAAGAACACCGCCGCCGCCGCCGCTCCTCCTTCTCCCTTTTCACTCAAACA
CTCCTTTCCTGATAGACCCATTTCTTGCTCTCTGGCGATGACTTCGAGGAGATTCTCTTTCATATCCCTTTGGC
GCTGAACTTCTCCGCTTGCTTGAGATCCGTGTTTTCAAGCCCAAGCTTTCCTCTCCCGCTTTTCTCGTGCGAGCC
ACTGCCAAGAAGAATCACGACAATTCTCCATCTCCTGAAAATGGAGATCACTCTGTTCTGGAGATGACGCTA
AATCAAAGAATATTTCTGATGGCAACGAAAGTAATGAACTTCTTCCAAGAAACCACATCATGTAAATTTGGA
CTGGCGAGAATTCAGAGCGAACCTATTTGCTCGTGAGCAGGCAGAAAAGGTCTGAAGCTGATGTGGAAACCCA
GACTGCAAATGCTCACGAGTCTAAGGGTCTTGCGCTGAAGTGGGCACATCCTATTCCTATGCCTGAGACTGGC
TGTGTGCTTGTTGCCACCGAGAAGTTGGATGGTGTTCGCACTTTTGAGCGAACTGTCGTCCTTCTCCTCAGATC
TGGAAGCAGACACCCTCAGGAGGGACCGTTTGGTGTCTGTGATAAATAGGCCACTCCACAAAAGATCAAGCA
TATGAAACCAACCAATATTGACTTAGCAACTACATTTTCCGAGTGCTCTCTACATTTTGGGGGGCCTCTTGAGG
CGAGCATGTTTTTGCTGAAAACAGGAGAAAAATCGAACTCCATGGGTTTGAAGAAGTGATGCCAGGCCTCT
GCTTTGGTGCTCGAAACAGCCTAGATGAAGCTGCAGTGCTGGTGAAGAAGGGAATCCTTAAACCTCAGGACT
TCAGATTCTTTGTGGGTTATGCTGGTTGGCAACTGGATCAGTTGAGGGAGGAGATTGAATCAGATTACTGGTA
TGTGGCAGCTTGATGCTCANATCTAATTGGTGAAGCTCATCAGATTCTCATCAGAGGGACTATGGGAAGA
GATTTTGCAGTTAATGGGTGGTCACTATTCAGAGTTGAGCAGAAAGCCTAAGCAAGATATGTAGTTTACTTAT
CTGAAGGAAGGAAAGATTGAAAAAATCCCAAAGTTCAAATGTGTAATCTACGTTAAAGCCAAATGTACAGA
AAGTA

>trans_s_12437NM_001058948|Oryza sativa Japonica Group Os04g0303900 (Os04g0303900)
mRNA, complete cds

TCCCAACGGCCGCTGCAATTGCCAATGTTGCAAAAAGTCCACCAATGCCCGCTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTC
TCTTTCCATAACTTCGACCATTTGTATCCCCTTCTTCGCTCTACCTCGAACTTTTTCTCGTTTCACTCCATCCCTTC
GTAAGGATAATGTCGCCGGAAGAATCTCCAGAAATGGTACACGGTTTCCGTTCTCATTTTGCCTACTGCATCC
ACTGAGCCTGTCACCAAGTGACGCCTCATTGCATCATCTCCACATCAATGGATAAGGGCGACGATGATCCGG
AAAAGAATATTAAGAATGCGGCCGACATGCTCGATATTAGGGTTGGACGAATCATTAAAGCTTGGAGACATC
TGGAGGCTGACACTCTTTATGTTGAAGAAGTTGATGTTGGTGAACCCGAGCCGAGGCTTATTTGCAGCGGCCT
TGTTAAATATATCCCTCTCGATCAACTTCTGGATAGAAGAGTTGTTGTCCTTGCAAATTTGAAGCCAAGAAATA
TGCGAGGCATTAAATCTTGTGGAATGCTAATGGCTGCTTCTGATTCTTTGCACGAGAATGTTGAACTTCTTTTG
CCTCCTGAGGGTTTCGATTCCAGGCCGAAAGAATATGTTTTGGATCTGAAGATGAAAAAGGCAACCAACCTGAT
GCTGCTTCCCAAACAGATTGAGAAGAAGAAAATATGGGAAATGGTGCAGCCTCATCTAAAGACTGACGGT

TGTTGCACTGCTGTTTTGGGTTCCCATCCACTGAGGACTTCAACTGGTGTGTCACCTCCACCTCCCTTAAACAC
GCAAACATCTCTTGACTCTATCACCTCCTCCCTCACGGATTACATTGGCACTTATTTTTTTCTCTTGAATTTTTGT
TCTATTTTGATACCCGGAACACAAACACGACAAGAATACATTTTACATAAAAGAAGGAATGAGATGTACAGT
ACCTTGCAATCAGTAATCCATATTTGTAGAGTTGCAGTGCTCATGAAGCTTCCTAAGATAGGGCTATGCTTCAA
CAAACACTTTCCGTTTAAATTCAGCTTGTGGTAGTGATTTAAAGTGACAAGGACTGGTAAATCATACAAT
CTCTCCTAGAATCTAATGACATCAAAATGGCTTTTTCTTATTTCTTTTTTTCTCCCGAAGAGTTGATGATTGAT
AATGTAAC TAAGGAGTAGGTGTTGCTGAATGTTTAAACCAGGTCTTGTTGGATGGTATATTATTATAGTAATG
TTATTGGGTAAAGAATGTATAATAATCAATCACTTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12438AY104210|Zea mays PC0085619 mRNA sequence

CAGATATCTTTAAGAAATACTCTGGGAATTATTGCAAATAAAACAAC TGATGGCCCAATGGACGATTTAGCAA
TTATGAAGGAGACGCTGCGAGTCAAGGATGAGGAAC TACAGAATTTGGCTCGTGATCTACGTGCACGAGATT
CAACAATAAATGATATAGCTGAAAAATTATCTGAGACAGCTGAAGCTGCCGAGGCTGCTGCTTCTGCAGCCCA
TATGATGGATAAACAAAGGAAAAATCGTTTGTGCAGAAATTC AACGTATAAAAGAAGATTCTGAGAAGCAACT
GGATGCATCCATCTTGAAGCTCAAAGAGTACGAAGCAAAATTAATGGATATGAGTAGAGAAAGAGATCAGTT
GATAAAACAAAGAGATGCTGCTAATCAGGAAGCACATATGTGGCGATCTGAGCTTGCAAAAGCTAGAGAGCA
GGCTGTGATTCTAGAAGGTGCTGTCGTGAGAGCGGAGGAAAAAATCAGGGTTTCAGAGGCTGATGCCGAAG
CGAGGATAAAAGATGCTAAACAGAAAGAGTTGGCTGCTTTCAGGAGAAGCAGGAGCTTATGGCATATATAA
ATAGGTTACAAGCACAAATTCAGAGACAACATATACAAGTTTTTGAGGAGAAGATGGAGTCTTGCCCAGGTA
ATGATAATTCTCTGCTAACAAAGCACATGGACTCGTCAGATGATAATGTGGATAAAGCATGCTTGAGTGACTC
TAGAGCAATACCAGTCTCTGGTGAGGTCAACCTACGACCGATTGGAGATGGGGAATGGAGTGATATTCAGAC
AACAGAAGCAAGAATTGCTGATGTTAGAGAAATTGCCGCAGAACTGAAGGAAGCAGTTTAGATATTACTGT
TGTTAGCCAACCTGTCAGCAGCCATCATGAGCAAGATGTGAGCTCTTCCCAACCATAAATTCGACATCATACG
AACAAAAATGCATGTTAGATGTAAGCATACAGTACACAGCACCTAGTTTAGATAAATGCAAACTTTGTTTTGC
ATTCTTTTATGTGCGAGTAATATTCAAATTATTTGACTGGCTGACCTGACGTTGGTGATGTGGTGACATTTCTC
GAGGTTAGACGCTAAAGTCTTAACAGAACGTGTTCTGTTGTGTGAGCCATTTATCGATGATTTATACTTTTGTG
TAGAGAGTCGGGAGTTGTAAATCTAGGGAACAAAAACCATCGATGATGAGTGTTTTTCTATAAACATTACG
GCTCCTGCTCTGGTGTATTATAAAATCTCTTCCCCTCAGTGTACTCGCTAGGATGGTCTCTGAACTTT

>trans_s_12439AJ507733|Solenostemon scutellarioides mRNA for hydroxyphenylpyruvate
reductase (hpr gene)

TTTACGCGCGTCGTCGAATCTTCCTCTTTTCTCCACATTCGTTTCGTCATCTACATTCAACTCCATCTCCTCCGAAA
CCCTAAATTTTCAGCCCATGGAATCCATCGGTGTA CTGATGACTTGTCCGATGAACGCTTACCTTGAGCAGGAG
CTCGATAAGCGCTTCAATCTTTACAAGTTCTGGCAATTTCTCAGAGGACGCAATTCCTCACCGAGCATTGCAA
TTCGATTCGTGCTGTTGTTGGGAATGCATCAGCTGGTGCTGATGCCACTTTGATTGATGCCTTGCCCAAGTTGG
AGATTGTCTCCAGCTTCAGTGTGGGATTGGATAAGATTGATCTCAAGAAGTGCAAGGAGAAGGGGATTCCGG
TCACTAATACTCCTGATGTTTTAACTGAAGACGTTGCGGATTTGGCTATTGGGTTGATTATAGCGGTGCTGAG
GAGGTTGTGTGAATGTGATAGATATATCAGGAGCGGGAAGTGGAAGATTGGTAACTACAAATTGACTACCAA
GTTCTCTGAAAAATCAGTTGGCATTATTGGTTTGGGAAGGATTGGCTTAGCAATTGCCAAAAGAGCTGAAGCA
TTCAACTGTCCAATATCTTATCACTCAAGAACAAAAAGGAAGACTCCAAGTACAAGTACTACTCAAACCTTCT
CGAGTTGGCCTCCAACCTGATATTCTGATCATTGCTTGCGCGCTAACTAAAGAAACCCACCACATCGTTAATC
GAGAAGTTATCGATGCATTGGGTCCAAAAGGTGTTCTCATCAACATTGGGAGGGGTTCTCACGTCGATGAACC
TGAATTAGTAGCTGCCCTGGTTGAAAGCCGATTAGGCGGTGCAGGACTTGATGTGTTTGAAAATGAGCCTGA
AGTCCCCCAAGAGCTGTTTGCACTCGAAAATGTTGTCCTGGTGCCGCATATAGGAAGTGGAACCGTTGAAACT

>trans_s_12440EU494946|Actinidia eriantha xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 1 mRNA,
complete cds

>trans_s_12441Y10252 | L.japonicus panC gene

ATTTTATCAAATTTTCCCATTTTGATCCACCGTTTCCTTTCAACCTTCACTTTCGTTCTCCAATGGCGAGGAAGGA
GAATCAGACTCTCATAATTACAGACAAAAACCAGATGAGGACATGGGCGAAATCGATGAGATCTTTACTCAAT
ACCATCGCCCTCGTTCACCACCATGGGTTCCTTCACGACGGCCATCTTTCTCTAATCCAAGAAGCTCGCAACCAT
TCACATCTCGTCGTCGTCCTATCTACGTAAACCCTAGCCAATTTGCCCTTCGAGGATCTCTCAACCTATCCTT
CAGATTCGACGGCGACATTCGGAAGCTCAATGCTGTTCTGGAGGAGTTGATGTCGTTTTCCATCCTCACAAT
CTCTACGACTATGGAGTTGAATCAGCTACGGATTGTGCTGGAATGGCCGACGTTTCTTGCTTGGAGGAATCCG
GTTCAAGCCATGAGACATGGGTGAGGGTTGAGCGTTTGGAGAAGGGCATGTGCGGGAGAAGTAGGCCTGTT
TTCTTTAGAGGGGTTGCTACCGTTGTTGCTAAGTTATTCAATATTGTGGACCCTGATGTTGCCTTGTTGGGAA
GAAGGATTATCAGCAATGGCGAATTATCAGGCGGATGGTTCGAGATCTTGATTTTCTATAAACATTTTGGG
TTTGAAACCGTGCGTGATGCTGATGGTCTTGCAATGAGTTCTCGCAATGTGCGGCTCTACCTGAAGAAAGAC
AAAAGGCATTGTCTATAAACAGATCATTGTCAAAGCAAAATCTGCAGCAGAACGAGGTGAACTCAATTGCAA
AAGATTAAAAAACTTGTTGTGATGAAATACAAGAAGCTGGCGGAGAACTTGATTATGCTGAGATTGTGGA
ACAAGAGAGTTTAGAGGTGGTGGAGGAGATCAAGAGCCCAGTTGTGATCTTGATTGCAGCTTGGTTTGGCAA
AGTCAGGCTCATAGACAACATTGAAATAAACATTTGAGTATTTACCCTTTTCTTTCCATTTTCTTTAAGCCTTTTG
AAAGCATTGCACATCTAGGGCTGGAGTTAAAACCATTTTTGTCTATGAGGATTTTGAAAATTGACAAAAGTGA
TTTTAACCTTTAGAAATTATTCGAAATGTCTTTTACTTGTTTGTCTTACGTAGGATTGATAACGGAGAGGGG

TAAACTCCTTTTATTTGTACTAGAACTTAAATTAAAGATTCCAATGGAGATGAAAAAATAAAGAGAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12442NM_111006|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein
(AT3G01400) mRNA, complete cds

ATTCCCTTATTGGATACTGGAATTCCATTTTTTTTCCAATTTTGATTTCTTCTCTTTCTTCTGTTTTGATTTCTGTG
TCTTCTTATCTGTCTCGGTTTTTTTCTTTCCCTTTTATGTGTTAGAGAATTCAGAGAGCTAAAGGGGGGATTTT
GTTCTAATTTTCGGAGATGGGGACAGAGAATCCCATGAATTTTACGTACATGGGGAGAACTTTGATGATCTCA
GCAACGGGGGATAGTTCTGGGGCCTTTAGGGACTGTAATAGCGATAGATCCGGGGAGTTTCCGACGGGGTCTGT
CGCAAAGTCGGCGGCTTTTGATTGCTTGTGCTTCTGATAACTCCGACGAGTTAATTCGGCATCTGGTTTTGGAC
CTTGAGTCCTGTTTCGATTGAGGAGCAGAAACAGGCGGCTATGGAGATCAGACTTCTAGCCAAGAACAACCA
GAGAATCGATTGAAGATCGCTAAAGCCGGTGCAGTTAGACCGTTGATTTCTGCTGATATCGTGACGGATCCTC
AGCTACAAGAGTACGGCGTGACGGCGATTTTGAATCTCTCGCTTCGCGACGAGAATAAGGAGTTGATAGCGG
CGTCTGGTGCGATTAAGCCTCTTGTGAGAGCTCTCATGTCCGAACTCCAACGGCGAAGGAGAACGCGGCTT
GTGCTTTACTGCGGCTTTGCAAAATGGAAGAGAACAAGATAGCAATCGGACGGTCGGGAGCGATTCCACTTC
TGGTGAATCTGTTGGAGAGCGGCGGGTTTCGGGGAAGAAAGGACGCGTCGACGGCACTGTATTGCTTATGCT
CGGTTAAAGAGAACAATAATCAGAGCGGTGAAAGCGGGAATCATGAGACCGCTGGTGGAAATTAATGGCGGAT
TTTGGGTCAAACATGGTGGACAAGTCGGCGTTCGTGTTAAGCGTGTGGTATCGATGCCGGAAGCCAGGACG
GCTCTGGTGGAGAAGGCGGAATCCGGTACTAGTGGAATTAGTGAGGACGGAACACAGCGGCAAAAGGA
AATCGCGGCGGTGATTTTGCTGCAGATTTGCGAGGATAGTGTCTTTACCGTACAATGGTGGCTCGTGAAGGA
GCAATTCGCGCTAGTCGCTTTGTCTCAATCCGGCACTAATCGCGCAAACAAAAGGCGGAGAAATTGATAG
AGCTTCTACGGCAACCAAGATCCGGCAACTACGCTGCCACCACCTCAGATGTGTCACTAATTTTTGTTCCGG
CCACGTGGACGATCCACCCCCCGCACACAAGACATCTNCATTACACCCCAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12443NM_116728|Arabidopsis thaliana RIC10 (ROP-INTERACTIVE CRIB MOTIF-
CONTAINING PROTEIN 10) (RIC10) mRNA, complete cds

AAGATAGAGTGATACATAGATAGATGTAGATGAACAGAATACTTATCACTGACCCAATACCTAATCTTATTTGT
ATTAAGTTCTCTTCTGCCATTGTCCTTCTAACTCTCTCAACCCTCTATTACCCCTTCATTTTGGAGGCCTTTCA
TTGTCAATTTACCTTTTCTCCTCTTCTAACCCCATCCATTTCTCTGTCTTCTCCCTATAATGAACATCTTCCACTC
CAAAATCTTACTCACTTTTTGGATTTTACTCATTTTCAATTTCAATTTCTTCTGTTTTTTCTTGTTTTTCTTA
ATGGGTTTTCACTATTAGGCATTTTGAACCCCCAAATGAATGCTTTGGATCATTCTGTTTCCACCCAAAGGAATC
GAACCTAACTACAGAAGGAAGCTCCAGCCTCCCAATTGCTGGACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAG
AAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGTCGGTTTTCTTTAGGTTTGGAGGGTAAAAGCAAAACCATTTG
ATCTCCAATCTTTGGGGGTTCTTGTGTTGTTGATTGCGATCTTATTGTTTAAAGGGTTGGTTGTATTGTATC
AGCTGTTGTATTGGTCTTTTTAGTTTTCAAAATCATGTCCAACAAATTGAAAGGGATCTACAAAAGTTTCAAATA
CATTTCCCAAATCTTTGTGATGAAAGAACGAGAGATGGAGATTGGGTATCCTACAGATGTGAAACATGTGGCA
CATATTGGATGGGATGGCCCTTCTGGTACAGCTCCAGTTGGATGAATGAATTCAAACAGCACCAGAGCATC
TCTCTGCTGCGTCGTTTGGCGATATTAGTGATAGAAGAGATTCAAGTTCTACTGCTGTAACAGCTCCTACAACA
TGGTCTTCTTGTGATTTTATGATCAAGCAATGCTACGCCAACAAACATCCGACTTCTTTGGCGAACTTCCACGGAC
AGAAATTTCCCAACCTTCTATAAAACCAAGAAAAAGACCAGAACTTCTCTCAAAATCTTCTCGTCAAAAT
CATCTCGAGTATCAAAGACAAAGCCATCGTCCTTGGTGAAATCAAGATGGTACCGAATTTGCAAGTCTAGAA
CTGTCATCATAACTCTAATACACATGTGCAAAGGAATAGAAAACAGTCTATATGCGTAGAGAATCAGTCTGT
CTGTTTTTTTTATCATATCAGGAATGGTGTAAATTGTTTCACTGGAGTGTAATCAGACGAACAATAAAACGTA
GTAGTGTCAGATTCTTTTCGCCCCAAGAA

>trans_s_12444NM_001123777|Arabidopsis thaliana ACHT4 (ATYPICAL CYS HIS RICH THIOREDOXIN 4); oxidoreductase, acting on sulfur group of donors, disulfide as acceptor (ACHT4) mRNA, complete cds

[illegible]

>trans_s_12445NM_115549|Arabidopsis thaliana aladin-related / adracalin-related (AT3G56900)
mRNA, complete cds

TAATTTCAAACCTTCTCAGAAAGTTCTAAAACAGTATCTAACTGGAAAATCCTCCTACGGACCCGAAAGAGTAG
GCGGGAAAAATCCGGTGGTCAATTCAAACAATCCAAGAACTTCGCCAGAAATCAGAATCAGTTCTTGAGCTGAA
TTGGGCAGGAATTTACTCATCTGATCCATTTAGGGCTTTGAATTTCCCTTACAATGCCTTCATTTCCCCCTCCTG
GATCTGTTACCATCTGCGAAATCAATCGCGACCTCATTACTGCCGATTGCCTTTCCGATGATCGGGCGAACGAT
ACTTATGGGAAAGTCCTTGGTATGGTGTTTAGTCCTGTTCCATTTCAGTCCGATTTTTTGGTGTGCGCCAACTCCC
GAACCGAAGAATGAGCCTAGGAACGATGAAGCAAATGGGGAAATTATTCAACGGAAGGGTGTGATTGCATC
TTTGCAGGGATTATCGAGGGCTCCATCAACCGTTTTTTGCGTCCTAATGATGTAAAATACTTACCAACTGAAT
ATCTTCAAGGAGTGAGTTGGCACCAGCACAAAGCATATTATTGCATTCATATCTGGGACGAATCAAGTTGTTGT
CCATGACTATGAAAATGCAGAAGGAAAAGACCTTGTATTTTGACCCATGACTTGCAAAGAGATGTTAAAGTT
CTTGAGTGGAGACCAAATGGCGGGAGGACTCTGTCTGTTGCATGCAAAGGTGGAATTTGTATATGGGCTGCT
TCTTTCCCTGGAAATGCTGCTTCCGTGAGACCTGGTGCTGTGTCTTTCTTAGCATCATTCTCAAGAGGCTCCGG
GGTTCGATATACACTAGTTGATTTTCTCCGAAGCCATGATGAACAGATTAGTGCCTGTGATGGAGTCCTAATG
GAAGATATCTCGCATCTGCTACTTATGATAGCTCTTCTTTTACCATTGGGGATGTGGCTCAAGGGTTGGGAACG
CCCATTAGGCGTGGATTAGGGTGTGTATCAACAATCAAGTGGTCACCTACTGGAGATTACTTTTTTGCTGCAA
ATTCGATGGAACATTTTATCTTTGGGAAACGAATGCATGGACATCTGAACAATGGTCTTCAACAAGTGGTTTTG
TCACGGGAGCAATTTGGGATCCCGAAGGACGTATGATACTGCTTGCTTTCTCTGATTCTTCAGTATTGGGTTCA
ATTCACTTTGCCTAAGCCTCCGTGCTTAGTTGCACATCTGTTACCTGTTGACTTACCAGAGATTACTACTTTG
ACAAACAGTCAAGGTATTGAGAAGATAGCATGGGATGCT

>trans_s_12446NM_119482|Arabidopsis thaliana DNA binding / transcription factor (AT4G33280)
mRNA, complete cds

AGCGGCAGAGTACTTGGAAGAAGGAAAACTCATTGAGCTTCAACAATGGCCTTGGAGCGGGCATCTCCATT
AACTTTTTCTCTGCCTCACTGACTTGTCTGATCACAACACTACGACTGGGCCTCTTCTCTTCAATCCCCTCTTCACTA
CTTTGTTTGTCTCCAACCTTCCCACTGCGCGCCACCCCTTCTTCATTCATATCCCTAAATTACATCTGTGGCTC
CGCAATCGGCAGCTGACCCAACCTTCTCTAGTCCCAATTTTCTGTTCCGTTTCGATCTGTTTGTTGTTAGTT
TATTGAGTCTCTCCCTGGAGAAATGGATAAAGTAGGCGATAGTTCCAACAAATGGGCAGAGGATATTTATTGG
AGCCATTTTCAGTTCACCCACTTCTATCAAATTCTTGCCGGTGGTTGTGAACAGCAACTGTAAATCCGGACAA
ATTTTCAAATAATTTGAAAAACAACTTCCCGCCACTGTGACTCTTAAAGGTCCTAGTGGTGCTACATGGGATG
TGGGATTGTCAACCACTGATGATAAATTGTGTTTCAAACGTGGATGGCAAGAGCTTGTGAAGGCTCATTATCT
GGAGCAGAATGATCTTTTGGTTTTAGATACAATGGAACGTCACAGTTTGATGTTTTGATATTTGATTGGAAGA
GCTTTTGTGAGAAGGAAGCATCTTATTTGTAAAAATTTGTGAGAATAAAAAAATTGACAGCGGCCGCCAGGC
TAAGAGGAAGCTTAGGGAACCTCTTTGGATGGTTTTGATGTTAATTAACAATGGTGCTGAATGTGATTCTT
CTGAAAATATCATACATGATGACAGTATGGAACGTATGATACAGGACGTTGTGTCCAAAGCTACAAATTTTAA
TGGTCAACCAGAGGTTTTTTCGGCCGAGCCTATACGAACAGTGCAGACTAGAAGAAAGAAAAAACTCCAAA
TAATACAGCAATTATTTCCACCCCTGAACCTGTTCAAGTTATCAGGTAGTTGGAGAAGAACTCTTAACTTTTA
ATCCTTCATTCATATTGTTCCATGTTTTCTGCGTTGACCTCAAACTAGAGAATGAATAACTGTGCTTTAGAAT
TCTTGGCGATTATTAGTTGTTATTATGTTATAGTGAATTTAACATGATGGTGGTGTGTTTCTGGTCTCGAC
TGGAAAAGCATTTTTGAAATGTTTCTGTAGTCAGACCCAGTCTACTTGACCATTTTGGATTAGTAAGGAAAAC
AGATCTGTGAATCAAATGTCTATATGGTTTTTG

>trans_s_12447NM_104342|Arabidopsis thaliana methyltransferase (AT1G54650) mRNA, complete
cds

AGAATTTGATGGATTTTCTTCTTCTTGCCTTTCTTGGAGAATTGCTTGATCTAGAAGCTTCAATTTGAAG
AATTGAATGGGGGAAGCCGCCGAATATTTCTCAAAGACTTCCAATGGGACGATCTTGAATTCGGGTCAACG
ACCCGAATTTGCAATACCATTTGCTTCCATTTGAGCCCTCCAATTCATTCCGTCAGTTTCTCAGAAGCCGATT
CAAACCATGGAGTCGCTTTCACCTCCGTCATTCTCCGGAATTTCTCAAGGAAAGGCGGTATTTGTTGAAG
GAATTTCTGAACTAGTTTCTGTAAGAAGTATTGTAAAGTTTTGGAGGTGGGTGTGGTAATGGAAGCACCG
TTATTCCAATCTTGCCTGGGAACGAGAACATCATTATCTATGCTTGTGATTGTAGCACGGAACTCTTGAGAGA
GCTAAAGACATTTTAAATGATGCTGGCTTTCATCTTTAAAGATCGATTCCATCCATTCTATTGCGACTTTTCT
ATTAGTAAGTTTCCAACATGGTTGGCCTGCAATTCATGCCGTGGAAACACTTTCCAACAGCAGCAGAGTTTAC
TACTCCAGAGAATGATGGATCTCCGGCCACTGGTTCATTGCATTAGAAGAAAGTGGATGTTGCATTGGTGGG
GTTGATTTTATTACTTTGATATTTACATTATCAGCAGTGCCTCTCCAGAGGATGCCAGCATCAATCAGAGAATG
CTTTATGGTTTTGAAGCCTGGAGGCCTGCTCTTATTTCCGGGATTATGGTCTATATGATATGACAATGCTTCGAT
TTGTGCAAGATCAAAGAGTTGGATTGAGGAGTATGTCAGATTAGATGGAACACGTTCTTATTTCTTCTGCTTA
AATACCTTGAGAGATCTTTTGGCAATGCAGGCTTGTGAGCTCGAGCTGGAATATTGTTGTGTGAAGTCCTC
AAATCGCCGAAATGGAAGACAATGGAGAGGGTGTGGGTTCATGGAAAATTCAGAAGCCTGTCTAATGAAT
CAAACAAGAGGCACAGAGCAACATTTGGCATTGATTATAAATTTCTTAAAGGTTGAAGAGGATGGATT
AGTAACTCTTCAGGGTGTGTCATGAGCACACTGTGGGGGCCAGATCCCCTTCAAACCTTTGATTATACAAGAA
AATGAATAAAAAAACTTCGATTCATCTTGAATTTGGATGAACTTTGAGGACTTTTTTTCTTCTTATAATTAGA
GGAGTTTAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12448XM_002866472|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata
phosphoglycerate/bisphosphoglycerate mutase family protein, mRNA

AACGAATCGATGGTGGGCATTGCGATTTGCGAACACTAAACGAAAATGAAAGATAAGGCTGGGACCAAAGG
AATCTCCATCGACGAATTTTCCCAACACGCCGCTCCTCCGCCGTAGGCGTCCGCTAAAATGTACGCGTCTCTT
CTCCGTTACGGTCGCAGCCCTTCTTGCCACACTTGCGTCACCAGCCCCATTGAAGCCCTCCCAATGCTTTCG
AACTTCTATCAACCACCGCCATCTGATCACCCTCTACTCTCTGACTTTGACCCTTCTTTTATCGATTTTACTCTG
CCCTGTTCTTCTGATTGCGTTGCTGAAGCTCGTGGGTTGTTTCAAATGCCCCCTGTTGCTTGTCAATCGGTAA
TTTCACTAACCCAGAATTTTTTTCCCATTTTATTTGGCTTTTGGAGATGATGATAAAAGGGGTTTGAGTATTGA
TTGAACCCCTAGTTAATACACTAGAAAATTTTCGTTTCTGATGCTAATAGTCATCCAAATTTGTTTCAAATGTGT
GTTTGATATGGGGATGAGAAGGTACTTTCTGGTGAGGGCAGGGGAGTCTGAATTTGATAGTTTTGGTATAAT
TAACACAAACCCAGTTGCAAAGACATCTGTTGATAGTGGATTGTCTGAGGAAGGGAAGAAGCAAACCTGTAA
AGCAGCTTTTAAGTTGAAGGAAATGGGAGCTTGTGAAAATGGTTGCTGGATTGGCCCTCTATTACACAGCGA
GCTTATCAAGCAGCAGAGATTATTGCTTCAGTTAATGGTGTGAATCGAAGTTACATAGTTCCTGAATACAGTTT
TCTTGATGCCCGTGGGCTTGGAGCTTTTGAAGGCAAGAGATTGGATTCTTTATCAGAAGTATATGCTTCAGAT
ACAATCTCTTCAAGTATCAAACCTCCTCCGATAGATGATGGCACCCCTAACGAGAGCGTATCTGATGTCTTCGT
TCGTGTAACCTCAACTGATGTCGATTCTCGAAACCCAATACTCAGGTGATACTATCATTATTGTCTCCCCAGATTC
TGATAATTTGACAGTTCTTCAAGCTGGTCTAATCGGTCTCGACTTGCGAAGGCACCATGATCTTTCCTTTGCTCC
TGGGGAGGTTTCGTTTCGTTGACATACGCAGCATCCCTTCTTATAAGCAACCAGCTTCAGCTGTATATAAATGTT
TAAACCTCCTAATTGTAATTGACATAGCATTCTTGATATATTGGCTATGAAATTATCAGAAACCTCTAATTC
TGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12449NM_111931|Arabidopsis thaliana protein phosphatase-related (AT3G10940) mRNA,
complete cds

ACTTCGATCGTTATTTGCGGTTTTTCATCTCAAGAAGAAAATGGGAGCTGCTAATCTCCCGTGTTTTTCATCGCT
ATTTGGAGTTTTTCCACTTCAAACAATGCTCCCAACAAACTTTTACCATTTTCTTCAACTCTTTCAAAACCCCTT
TACCGATTCAACAGGATTGCTGCGGAGTGCCTGAGAGTGGAATTCAGCAAAACCCCTCAACTTCCAGACCTT
CCTCTTCCAAGAACAGGATGGACGAGTACAATTTAGCTATGAAGAAGATGATGAGGAACCCCTATGAGTATC
ACCATGAACTGGGTATGAACTATACCGTGATAGCTGACAATTTGATTGTCGGGTCCCAGCCTCAAAACCTGA
AGATATCAATTTCTTGAAGAGGAAGAAGGTGTTGCCTATATTCTGAATTTACAGCAGGACAAGGATGTTGAG
TACTGGGGAATCAACTTACAATCGATTATAGAAAGATGTAAAGAACTTGGAATTCGTCATATGAGGCAACCGG
CAAAAGATTTGATCCTGATTCCCTGAGAACTGGATTGCCTAAAGCTGTTTCCTTGTTAGAATGGGCAATTTCA
AAGGGCAAAGGAAAAGTATATGTGCATTGCACTGCTGGACTTGGAAGAGCCCCGGCCGTTGCAATAGCCTAC
TTGTATTGTTTTGCGGAATGAATTTAAATACAGCATATGAAGCACTGACCTCTAAAAGACCTTGTTGGACCA
GTAAAAGAGCGATCCGTGGAGCGACATACGATCTATCTAAAATGATCCATGGAAGGAACCATTTGAGAGCC
TTCCAGATAATGCATTTGAGGATATTGCAAATGGGAAAAAACTTGATTGGGATCGGGTTCGTTCTCTCCGT
AGAACTTAAGTATGCAGTCTTTTGCCTGTCTCATCTAGTTCGTTTTCTTTGTTTTCTTCTTTCTTTGTTGCTT
TATCTGCATTATCAGTGTTTGCCCAAGGAATCTAAGTACATAGCTGTTTCATAGTAGGTATTTACAGTATATCAA
TATTTCAAGGAGCGTGTCAATGCGTGCAGGTTCAATGTCCTTCCACTTTTACAAGGATGATGGACTGGAGAACA
TAGAATGTGGTAGTTTTGCTTGCTGTTACTGTATAGGCTATGGAGAATAAGAGTTGGGACAAATACATGTAG
CAATAGAGGTGAGCTAATCTCAATTGGTAAATTTGAAGCCAGATGTATAGAAAACACTATATTGAATCAAAGT
AATAAATATTTGCTGTAGTGTTGCACTTGAT

>trans_s_12450NM_105770|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase family
protein (AT1G71010) mRNA, complete cds

AGTTCAACTACATCTTATATCTCCGCATCTCATGCTCCTGAAGGCGTTCGCCTGTTGCTTCTCAAACCTGGCAAT
AATGATATAGTTATTGCTGTTTATGACAATGAACCTACTAGCATTATTGCGTATGCCCTAAACTCGAGAGAATA

CGATGATTGGGTTGCCGATAAGTTTTCCGTCAATGAGGGAGGCCGGAGTGTCCTAGAATCAATATAGAAGA
TTCTCGTCCTTACCTCTTTCAGCTTGGCAGTCTTTTGGTGGTTTGGACTTGGACTATATCCACTATGGAACTA
TGGTTCTGAAGATTCTTCAACCATGAGGACCCTGTTTTCAGATCCCAAAATCTCCCCATTTGAGGCTTTCGTTT
GTAGATGAATCTTCAATATCTGGGGGTAAAGTCAAATCTCTGTCACTTGCTACTTTGCAAAGCAATTTGACTT
GCTTAGAAAGAAATGCTGCCCCAAGGGAGTGGATTTTGTAAAGTCTTTGAGTCGCTGTTGTCGCTGGAGTGC
ACAGGGTGAAAAAGTAATGTTTATTTTGCCAAGTCATTGGATGAAAGATTCATCATTAAACAGGTCACAAGG
ACTGAGCTTGATTCTTTTGGAGGAGTTTGCTCCTGAATATTTCAAGTACTTGTCAACAAGCTCTAACCTATGGAAG
TCCTACTTGCCTTGCAAAATTCTTGGGATCTATCAGGTCAGTGTAAACACCTGAAAGGTGGGAAAGAAATG
AAAATGGATCTGATGGTGTGAGAAATCTTTTTTTCATGAGAAATATCTCAAAGGTGTACGACCTCAAGGGCT
CTTCACGATCTCGTTACAACCCAGACACATCTGGGGCTAACAAAGTCTTCTCGATCTGAACCTCTTAGAAGCA
CTGCGGACGAAACCCATATTTCTCGGAAGCAAGGCCAAAAGAATCCTTGAACGAGCAATCTGGAATGATACAT
CTTTTTTGGCGTCAATAGACGTTATGGACTACTCCCTTTTGGTTGGGATTGATGAGGAGCGTAAGGAGCTCGT
TTTAGGCATCATCGATTTTCATGAGGCAGTATACGTGGGACAAGCAATTGGAGACGTGGGTGAAGGCATCGGG
AATACTTGAGAGTCCGAAGAATGCTTCTCCTACTATCATTCTCCGAAACAATACAAGAAACGGTTTCGTAAGG
CAATGACTGCTTATTTTCTCACAGTTCCTGATCAATGGTCTTCTTGATTTTATGATGGATCATTGTATTCTTTGT
CCATGAAGCATTGTTCGTGAATAAAGGGATTGCAATTGCAGATAAATTTGAAGGAATCCCTCTCATTCTTTTC
TTTTTACCCTTCATCACTTAGATTTTGTGTACAAAGAAACAAAGATTAGGTCCGAAAGAGAGGGCATTACCCC
TTGAGAATGAAGAGTTGTACTTTTTCTTTTCTAACCTAATGAAAAAAGTTATTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_12451EF405964|Populus trichocarpa abscisic acid responsive elements-binding protein 2
(ABF2-1) mRNA, complete cds

TATTTTGAAAAAAAAAAAAAACCAGAAAAGTAAGCTCTCAAATCCTCCATTTAAGCTCAGATCTCTGGGTGA
GACACCTGTCGACTCCACCAGCCTTAAGAAAGAAGGGTCGCTCAGTTCGAAGTCACTGCCAATTTTCTAAAA
ATACCCAACCATTTTTCTTAGAAAAAGGGGGGAAAAAGGAAAAATTTATATTAATAAATAAATAAATAAAGG
TTTTCTTCATTCAAGTTGTAAGAGAACTGAGATTGGCCAAGATAAAAAGGAACATACTCGAACTATTACTCGA
GAAAGAAAAATTTTCGAGGCAGTTGCTGTGTCCACACGAGTTGAACTCTCAAATGAATTTAGAAACTTTGAG
GATATCCCACCAGGAGAAGGCCCTATGGCTAAGGCGCAAGGAAATTTACATTGACTAGACAGCCTTCCATAT
ACTCTTTAACCTTTGATGAATTTGAGAACACTTGAATGGACTTGGAAAGGATGTCGGTTCGATGAATATGGA
TGAACCTCTTAAAAACATATGGACTGCTGAAGAGTCTCAGGCTGTAACATCTGCAGGTGCTGCTCCGGGCGGA
GCTGGAATCACCAATGGTGGGAACCTTGCAAGGCAAGCTTCGTTAACTTTACCCATGACCATTAGTCAGAAAA
CGGTTGATGAAGTTTGGAAAGACTTGAGTAAAGAGAATACTAGTGTTAACGAAGGAAATGGAATCGAACCAA
TGCCAGCTCGACGACAACCAACATTAGGGGAAGTGACTTTGGAGGAATTTTAGCTAGAGCAGGAGTGGTAA
GAGAAGAACCTCAACATATTGAGGAGCGGCCATTTAACTGTGGATTTTATGGTGGATTATCAAGAGAAGACA
ACAATGCTAGTTTGGCTCTTGGGATGTTGATGGGAAATCAGATAACTGAGAACAAAAATATGGTTTCTAATCA
GAATCAAAATTCAGTGTTTTTAGGAACAGGAGTTGTAAGGTCTTCTCAGCCGAGCAGCAACAGCAGCCACTT
TTCCCAAACCAGCTAATGTGACTTTTGCTTCTCAATGAATTTAGTGAACACTCCCAGCTTACCAACGGATCT
GGGACTAATATGGTTGTGGCCCCAAACCTCCTTTCATGATGCTTTAATTCAAGGCACGGGCATTGGTGCGA
TCGGCTTAGGTACGAGATGTGTAAGTGTGCTTCAAGATCTCCTACAAGTACAATATCATCTGATGTGATTACA
AAAAACAGCATAGAGACGTCTTCATTTTCATCCGTTCCATTTTCATTTGGCCGTGGTTCGGCGAAGTAGTGGA
GCTCTAGAGAAAGTGGTCGAGAGGAGACAACGAAGAATGATAAAGAATAGAGAGTCAGCTGCAAGGTCACG
GGCTCGTAAACAGGCTTACACCTTGAAGCAAGTTGCAAACTCAAAGAAATGAACCAAGAGTT
GCAGAAGAAACAGAGAGTGATAAT

>trans_s_12452AF227913|Arabidopsis thaliana diaminopimelate decarboxylase mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATCCAGTAAGAAATTTCTTAGCAATGGCGGCCACAAATCTCTACTCTCCTTCTCCTTCCCTTTCCAGCACCCCTCA
AACACTCTCTCAACTCAAACCCCTTTTCACCGTATTCCATTCGTCCTTCACAAACCCCTTTCTCAAAACTCCCCTTTCC
CTAAAAGCTGTTCTTTCTCAAACCCCTTCTAAAACCCAGACCCAATTTAGCATTGTTTCTCAAATCCTCAGAT
GGGTTTCTTTATTGCGAGGGAATTAAGGTGCAGGACATCATGGAATCTGTTGATAAACGCCCTTTCTATCTTTA
CAGCAAACCCAGATAACTAGAAATGTTGAAGCTTATAAAGAAGCTTTGGAAGGACTGAATTCCATCATTGGT
TATGCGATTAAGGCTAATAATAATTTGAAAGTGCTGGAGCATTGAGGAAGTTGGGTTGTGGAGCTGTGCTT
GTTAGTGGAATGAGCTTCGTTTGGCTCTTCATGCTGGTTTTGACCCACCAAATGTATTTTAAATGGGAATGG
TAAACTTTTGGAGGATTGTTCTAGCTGCGGAACAAGGTGTTTTGTCAATGTGGAGAGTGAGTTCGACTTG
GATAATATTGTAGCTGCTGCAAGAATTGCTGGAAAGAAAGTTAATGTTTTACTTCGTATTAATCCGGATGTGG
ATCCTCAGGTACATCCTTACGTTGCCACCGGTAATAAAAACCTCAAATTTGGTATCAGGAATGAAAAGTTGCA
ATGGTTTCTGGATGCTGTTAAGGCACATCCTGATGAACCTTAAGCTTGTTGGGGCCCATGCCATCTTGGGTCCA
CCATCACCAAGGTGGACATATTCAGAGATGCTGCAGTATTAATGGTCAACTACATTGACGAGATCAGAGATCA
AGGTTTTGAAGTTGATTACCTAAACATTGGAGGTGGACTTGGTATAGATTACAATCATGCTGGAGCCATTCTTC
CTACTCCTAGAGATCTCATTAAACAGTACGAGAGCTGGTGCTTTCGCGAAATCTTAATCTAATCATTGAGCCT
GGGAGATCAGTGATTGCCAATACTTGCTGTTTGGTGAATCGAGTGACTGGAGTCAAAACTAATGGGACTAAA
AACTTTATTGTAATCGATGGAAGCATGGCTGAGCTTATCCGCCCTAGTCTTTATGATGCTTATCAACACATAGA
GTTGGTTGCTCCTACGCCACCTGATTCTGAGATCTCGACTTTTGATGTGGTTGGCCCTGTCTGTGAGTCTGCAG
ATTTCTTAGGGAAGCAAAGGGAACCTCCCAACTCCGCCCAAGGGGGCTGGCTTGTTGTCCATGATGCTGGTG
CTTACTGCATGAGTATGGCATCTACTACAATCTCAAGATGCGTCCTCCAGAGTACTGGGTTGAAGAAGATGG
ATCAGTGTCCAAATCANGCATGGTGAGACATTTGATGATCACCTTTCGGTCTTCGAGAATCTTTGATCGGAA
ATTTGAGTC

>trans_s_12453NM_111576|Arabidopsis thaliana PDE320 (PIGMENT DEFECTIVE 320) (PDE320)
mRNA, complete cds

AGAGTTTCATGGTTGCTCCTTTGTTCTTCTTATTCCCCCTCCCATGGCTTCTCTTCAACGCGTCTTCTCCATA
CCCTTTTCAGATTCTGGCTCCATTACTCTCTTAGGCCAGTTCAATTTACAGAAATTCATGTCCTCTCTGATGAAA
ACTGGTTCTGGAGAGATGGGTCAGTCGTTTTCTCATTACATACAATGTATTGGAAGGCATCTTTACCAACGGTC
TTTGATGCTGTGGGTATCTCTGCTGATATCTTGTTACCACCCGATGATTCCCTGATGATTAGCTTCGATGGATA
TGGTGACAGTGATATAGTTCGAACAAAAGCAGTATTTACCCGCAAGTTCCTACATCATGATCTAACAAATGGAG
GCACTTTCTCCAGGACTTTTTATGGACAAATCTGGAAGATATTGGGATGTGCCTTCTTCATTGGTTGTTGATCT
AGGCTCTGCTGCTTCCGATTCCGGTTTGAGTTACCATTGTCTATGCACCAGAATACTGGGTTTCCCTCACCATT
GGGAAGTGAACCGACTCATTCTGCTCCTTTCTGTTTATTTCTGGTCTATCAGCCAAGGCTGCTTTTGCCTTTAA
GAAGAACTTTGAAATCTGGCGAAGCAATGCCAAGAAATTAAGATGGTGCAACCGTATGACATTTTCTATCA
ACTCCTCATGTTTCATTGTCAGCGATCATTGGTGCTGTAGCTACTTCCTACTTTGGAGACGATTGGTTAGATCA
GCAGCACAAGGAAGTCTTGCGGAATTCAAAGGATTTTACATGCAGACTTCTAGAATAAGATCTACTATTTTCG
CAGATTTATTCACTTCTATTTCTTTTTCAGCTCAGTATGGGATGTTTCAGAAGAAATATCTGGATCTTACCCGAT
TTTCCGCTTGATGGATTTCCATTCTGGCTCTAAGTTTCTTTCAGGATCCATGCTTTTGATAGATGATCTTTCCAA
CTCCCGGCACCCAAAACTGAAGCTGTGAAAGCGACCTTGCCTAATGCAAGATTTTCCATTAGCAACAGATT
GCTGGGCTGTGAGCTTTAGAGCAGATTAGGAGTTGCAATAGATTTGAATAAAGCAGGGTGGGATTTATTAC
GAGTGGATGAGCCTACATTTGCCTTGAATATGCGTTGCAAGTCCTTGGTTCAGCTAAGGCCATTGCTTGGTA
TTCACCTAAGCATAGAGAATTTATGGTAGAGCTTCGTTTCTACGAGACCTGAGGCCGTTAGGTGACCAATCTTC
TCTTTTATTCGTTCAATAACATTGGGTGAACTCATCAGGTGATGGATTAGATTTTGGACCTTTTAAATTGAGAAT

ATATATATATGTAGTCAAATGAGTTATCCTCAAGTGGATGGTTGAAAAACCTTTTGATTTGATGATATGAAAAAC
ATTATATACAATGATTTAGCAACAAGCAATCATAATTTGCGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12454NM_001054119|Oryza sativa Japonica Group Os02g0649700 (Os02g0649700)
mRNA, complete cds

CAGATGTCTTAGGCCCTGCTCTTCGCCGACCTGGAAGATTTGACCGTGTTGTTATGGTGGAACACCCGACAG
AACTGGAAGGGAGGCAATTTTAAAAGTACATGTTACCAAGAAAGAGCTCCCCCTTGCAAGATGATGTCAACCTC
AGTGATATTGCTTCTATGACCACAGGATTTACTGGGGCAGATCTTGCAAACCTGGTTAATGAAGCTGCTCTTTT
GGCTGGAAGACAGAACAAAATTGTGGTAGAAAAAGATGATTTTATTCAAGCAGTGGAGAGATCGATAGCTG
GCATAGAGAAGAAGACCGCCAAATTGCAAGGAAGTGAGAAGACTGTAGTTGCGCGACATGGGGTTGGTCAT
GCAGTTGTTGGCACAGCTGTTGCAAATCTTCTACCTGGACAGCCACGTGTAGAGAAATTGAGCATACTACCAA
GGTCAGGAGGAGCACTTGGGTTTACCTATATTCTCTACAAATGAAGATAGATATTTGCTTTTCATTGATGAA
TTGCGTGGGCGTTTGGTTACACTTCTGGGATGACGTGCAGCAGAAGAAGTAGCCTTTTCAGGTCGTATTTCAA
CCGGTGCACTTGATGATATCAGACGAGCAACTGACATGGCGTACAAGGCAGTGGCTGAGTATGGTCTGAACC
AAACAATAGGCCCCGTGTCAATGGCAACACTCTCTGGTGGCGGGATTGATGAGTCTGGGGGAGCTGCCCTT
GGGGAAGGGACCAGTTCTTAATTTCTCTACAGTTTCTTTCTAATATTTAATTTAATTGTATATGTTTCTATGCT
GTCCATATTCATTATAATATATGCAGCAGGGACATCTTGTTGATCTTGTTCAAAGAGAGGTTAAAGCATTGCTA
CAATCTGCCCTTGAGATTGCGCTTTCAGTTGTGCGTGCAAATCCAGATGTCTTGGAAGGTCTTGGTGCTCATTT
AGAAGAAAAAGAAAAAGTAGAAGGCGAAGAACTACAACAGTGGTTGAGAATGGTTGTTGCACCAAAAGAAT
TGACCATCTTCGTAAGAGGCAAGCAAGAATCCCTTCTCCAGTACAGTCAGTGAAGTCAAGCCCGGCTTCATA
GCCATAATGTATAATTCTTGATACTTAGAGTAAACCAAATCTCGGCGCATTCTTTACAAGAAAGATAACTGT
TGGATGTGTCATCTCACAACATGGCAGAAAAAATAGGTACAAAACAAAACAGCCGCCGAGCTGCCTAAGCT
CCTTGTTTTCAAGCTGTGTTCCAGTATGTTGCCATGTCAACTTTAATGTTCTCAATCAGCTATGCATTGGCCACA
ATTCTAACAGTATCCAACCTTCATATCTGTAATTTATTACCCAGCTGTGTACACCCTACTGTACTGTAAATATATA
GCATTTCCATAAGTTACAATGTATGAAGGTCTGGGTGATTTTTACTACATATACTCTCNAAAGTTGTCAGTCGT
TCATCATTTACAGAAT

>trans_s_12455EU583457|Betula pendula histidine kinase 3 (HK3) mRNA, partial cds

TCATGAGTGTGGGGATCAAGGGTAACCCTCGCAACGGAGAGCTTCCTGTTCTCTCACTCCGCAATTTACTTCTT
GGTCGAAAAATTCTGGTAATAGATGACAATAAGGTGAATCGTATTGTCGCTGCTGGTGCTCTACAGCGATATG
GAGCTGATGTGGTATGTGAAAACAGTGGACGAGATGCAATCCGACTGCTTACGCCACCCCATCATTTTGATGC
TTGTTTCATGGATATTCAGATGCCAGAAATGGATGGGTACGTGATAAATATACATTCTTTTTCTCCTCTTTTG
AAGAACTGTAGCGATAGGAATGTATTTTTTCATATATATTTTTTTTCTTTAAGAAGGAAGAAGAAAAGGAAA
GAAACTTGATTTGACAGTTTCTTCAAACCTTTGAGTTATGATCATTGAACATACATAAATGAGCTGATCACTTG
AGTGATTAATGTTCTGCTTCACAGCTTTGAAGCTACAAGAAGAATTCGGGAAATTGAACATCGAATCAATGAT
GGTATCCAAGTCGGAGAAGTATCAAAAAGAAGCATACGAGAATACGTGTTATTGGCGTGTACCCATCTTGGCCA
TGACAGCAGATGTAATCCAGGCTACACATGAGGAATGTCTTCGATGTGGGATGGATGGGTACGTTTCGAAAC
CATTTGAAGTTGAGAGACTTTACCGAGAAGTTTCTCAATTTTCCACAGTACCTCAAATGGAACCTTTATAGAGA
GCAATCGTATAATCCGAGATTGCCAATGACATTGGCCTGTTCAAGTCAGGAATGTACAGCATGCTTAAAAGGT
GTAGATTACCGCCGAGTAATCGAAGGTGAATCGACTTCTTGATTGCTTCATATTATGCCAGGCAAGCCTAGA
TTTTGTGGAAGAGTGTAATAAGTAGACAGACATGAGTGGTCAGGTGGAGTTCTCGTCACCCGACGAATGAG
AAACGTCGCTATATTTTTTCGAAGGTCAGAAATTCAAGATTTATTTGGAAGCGGAATGATTCATCAGGGACTTT
CTTATATGAAAGTAATTAAGTCTCTGTGGTTTGCAATCTTTTTTCTATATTTTATGATCATCCTACAAGTTG
CTCATCAAAGGGATCAAGAAATGGCAGTGTAGATATCAATTTGGATGGAGGAAGAATGTGGGGTGGCAACT

AGAAGAAAAAAGAAAAAGCTTTGTATATTAATAATATGTTTGATTGTATTCTCACAACCTTTACTTTTCTTCT
CTTTTCTTTTAGCTAATTTTGTGTATACCTTTCTATTTCAGATGAAAATAGGACAAAACTTCACACACTATAA
GATTTGAACAAAAAATGATAATGTACATTTCTTGGTGACAAAAAAGGCCAAAAA
AAAAA

>trans_s_12456AM746109|Populus trichocarpa mRNA for D1-type cyclin (CYCD1;1 gene)

CATCCAAGTTCAATTTCCATCCCATCTTCATCCACCCACACCCACGTCTTCCCTTTTCTTCTTCACCTGAATA
CTCTCGCGGTGTCTCCGGCTGTCTTTCTCAATTGGATGGGGATGACCATGCTGTCTGAAAGAGAATGAGGGA
TACTAAATCCCGATCATGTCCATCTCTTCTCCTCCGACTGCTTCTCGACTCTCACTTACTCTGTGATGAAGACT
CCTCCGGTATTTGTCCGGAGACTTGCTGGAGTACTCCTCTGACCTTGAATCGGCGGCCAGCAGTGAGGACTC
TATCGCCAGTTTCATAGAGGACGAGAGGCACCTTTGTTCTGGAATTGATTACTTATCGCGCTTTCAGTCTCAAT
CGCTCGATTCTCCGCAAGAGCCGATTCTGTTGCATGGATTCTCAAGGTTCAAGCATATTACGGTTTTCAACCA
CTCACTGCATACCTTTCCGTCAACTACTTGATCGATTCTTTATTCTCGCCGCTTGCCGGAACAAATGGGTG
GCCATTGCAGCTTCTTTCAGTGGCTTGTATCACTTGCAGCTAAAATGGAGGAACCCATTGTTCTTCATTCTGT
GGATCTGCAGGAACATTTTCCAGTTTCTCAACTCACGCTCCACGGAAATTATTCTCTCCAATATTGAGACGCT
ACTTTTCTTGAGTACTGGCCTTCTGCATTGCTGCCGCTGCTTTACTTTGTGCGGCAAATGAAATCCCAATTTG
ACCTCTTGAATCCTGAACATGCCAGTCTTGGTGCAATGGACTCAGCAAAGATAAAATAGTTGGGTGCTATC
GGTTGATGCAACCGTTGACATTGGAGAGTCGTCGGAGGAAAGCACCGAAAGTGATACCGCAGCTCCGAGTG
AGAGTCCGAGCTGGGTGAGATACAGTGAAGTCTGTCCTCATCAAGGTTACCTTTTAAAGGA
GGAAGTTAAATAATTGCGTGTGGGTAGAAGATGACAAAGAAATTTCAAGTTCAGAGCAGACGAATAATAAT
AAATATAAAGAGAGGAAAAAAGGGTTTTGGTTTTGATGGGTTTTCTTTCGGTGGTGGTCCAACTA
CTTATCTTCAAAAAAGAAAAAGAACCTTAAATTTACATAATATATAATTTAGAGAGAGGGAGAGAGAA
AAGGATGAAGGGAAATGTATCAAGAGTTTTTTTCTTCTTTTGGGTAATTTCCAAACCCACTACAGATTAA
AAAAAGAAGAGAGAGAGAGAAATAGAAAATAAGAGAGGAAATTCTCTCGTTGGGTTTTGCAGATTCCCA
AGGAAACAAGGAGAGGTTTGGTTGTTGTTGTTGATAGATATTATTTGGTGTGAGAAAAAATAAAATAC
AAAGAAAGAAAGAAAGAAAGGAAGGAAGAAAGATTAATACATATTTATATTTGTTTGAAGAAAAA
AAAAA

>trans_s_12457AY105794|Zea mays PCO076255 mRNA sequence

AAAATTGAAATTGGGGAAGTTGCGTGATAACTCAGAGATCAGAATAGTTTCTAAAAGCGATTCTCAATTTT
TCTTTTACTACTTTTCGATTCACTTTCTTATTCCTTCTTCATCGTTTCATAATCCACTAGAGTTCTGTTATGGAGAA
AATTAGAAGAGCATCTCATGCCGGTCTTGGTACACCGACAATTCTAAGAACTCGCGGAGGAGCTTGAAGG
ATGGCTGAGGGCATCAGGCCTGTCTAAATCCCCGGATGTACGTGGTGAATTGCTCCGCATGCTGGTTATTCT
TATTCAGGACGTGCTGCTGCATATGCGTTTGGTAATATTGATCCAACCACTTTTCTAGGATCTTCTTCTTGGT
CCATCTCACCATTATTATACAACAAATGTTCTCTTCACTGCCACTGTTTACCAGACCCCTGTGGGGGACCT
CCTATTGATTTGGAAGTCATTGAGGAGCTAAAAGCTACCGGAAAATTTGAATTGATGGACATGCATGTTGATG
AAGCTGAACATAGCATGGAAATGCACTTGCCATATCTTGCCAAAGTATTTGAGGGGCATTCAGTGAAAGTTGT
ACCATTTTATGTTGGTGCTGTTTCTGCAGAAAGTGAAGCCATGTATGGACGCTGCTTGCCAAATATGTGGAT
GATCCAAAAAATTTCTTCTGTATCCTCAGATTTTGTGATTGGGGTCTCGGTTCACTACATGCACTACGAC
AAGAAACATGGGCAATATACAAATCTATTGAAGCTTTGGACCATATGGGCATGGATAAAATAGAAACAGGA
GATCCTGAAGCATTCAAAAAGTACCTGCAGGAGTATGACAACACCATTTGTGGTCGTCACCCTATTAGTGTATT
TCTTCATATGTTGAAGCAAAGCTCCACAAAATGAAGATAAAATTCCTTCGATATGAACAATCGAGTCAATGCA
AAACGATGAGAGACAGCAGTGAAGCTATGCATCAGCTGCAGCAAGGTGGATGCTTGAAGCTGTGTGAAAT

ATGGCAACGAGCTTCTTCATTGCCTTCGCCTTAACCTCTGATATGATGCATTTTACTTTGTTCTTAAATTATTTAG
AAAGTCTTGTCCATCGTGTTACATATCAGTCATTCAGCAACCTTCATCGTTAGTGTGTTATTTAATTTTCGTTTCA
TATATTTATTCTTGTCGGACTGATGATTCTCGAAGGGCTTCTGATGAAATTTCTGTTTCTCCATTCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12458BT015624|Arabidopsis thaliana At4g16580 mRNA sequence

TGGCCTTCCCTTCTGCATCCATTCCATATACATTTCTGGATTCCATCTTCTCAATTCTCCTGCTACACACCCACCC
TGAGATCCTACTCTAATCTTGTGAAGGTTCTAATTTTCTGGAACGTATGGACATTTTGATCTGGGGAAGTATTA
TGCATCTAGTAATCTGAATATAGATGTGCTGGGAGGAATGGTATTTTTCTCATACGAAGTTGTAGAGGGTGC
ATCCTGTGCAGGAGAAGAATCAAAGTGAGGCTCTTCTGTTAAAGGGGCTAATATGCCATCTTATATGTCAAAA
CTACGAGCGCCAGTTAAATTTCTAGGGTGGGAAGGTGGATTGAAAAGTTCGTTGGAGTTGCTTTTGGGGCAT
CAGAAACTTTTGTGTGGCAGTTCTAGTCTATTTCACTCCGTTCCGTATTCCTCACTTACAGAGTTGCATGCTCTC
TTAAGACCTGGTGCTATTTCCGGTGCTAGTTCAGAGCTAGTCAATCGCCGGAGGAATATCTCAGTTCTTGGGG
CAATTTCTCGCACATTTTCTATTCCCTCGGTGTCAGGCCCTGCATTGCAGACTTGTGGGTATCATATTGATTGTG
CCATTGCTCAATCCTATCAATATTCAACTCACAGCAAGTGTCAAGAAAAGCCAATGGCTGCTTATGGTTCTAGA
GCGACACTTGGTGAATGTTCTCTTGATAAATTAAGTTTAGGAATGTTGCATATTCGTCTCCTTCAGCGATCACT
GCTGGTATTTCTTTAATAGAAGTGTTGATAGCTGTAGGAAAGCCAGCATGAATTTGAAAAATCAGGAGCAGC
CTAGCAATAATGTGATATATGGATACTTCACTTACAATGTTGCAAAAAGGTTTGGCAGCAGTTACCTACATACT
GTATCAGGAGTAAAAGATCTTCATAGTTCATCAACTTCTCAGTTTGCTGCTGGTTCTGCTCCCAATGTGTCAATT
GATAACTCTGCACGTGAGGAACAACCTCCGAACCTCTACTGATTCATCTGAACAGAAAATCTCAATGGGCAAAT
CATTGAAACTGGTTTCTGGGTCATGCTATCTACCCATCCTGATAAAGAAGATACTGGCGGAGAAGATGCTCA
TTTTATCTGTGTTGATGAACAAGCTATAGGGGTGGCTGATGGTGTGGGTGGGTGGGCAGATCTTGGTGTGGA
TGCTGGACAGTATCCCGAGAACTCATGTCTAACTCGGTTAGCGCAGTTCAAGAAGAGCCCAAGGGCTCAATT
GATCCAGCTAGAGTCTTGGAGAAGGCC

>trans_s_12459NM_202197|Arabidopsis thaliana SCPL45 (SERINE CARBOXYPEPTIDASE-LIKE 45
PRECURSOR); serine-type carboxypeptidase (SCPL45) mRNA, complete cds

GGAGAAATGGTTTGTGAGATTCCACATTACAGAAACAGAAGCTTGTTTATTACAGGAGAAAGCTATGCTGGT
CATTATGTTCCCAACTGGCAGAGCTTATGGTCCAATCTAACAAAACCTCATTCAACCTCAGAGGCATTGCTAT
TGGCAATCCTGTTCTAGAATTTGCTACTGACTTCAACTCAAGGGCTGAGTTCCTTTGGTCCACGTTTAAATATC
GGATTCAACATTTAAAATGTTTACGTCAATGTGCAACTACTCTCGTTACGTGGGTGAGTACTACAGGGGGTCT
GTTTCACCCATTTGCTCAAGGGTGATGAGCCAAGTGAGTAAAGAAACCAGTAGATTTGTTGACAAGTATGACG
TTACCTTGATGTATGCATATCGTCTGTGTTCTCTCAATCCAAAATCCTCAACCCTCAACAAGTAACTGAGTCGG
TTGATGTCTGCGTGGAGGACGAAACAGTCAACTATCTCAATAGGCAAGATGTTTACAAGGCACTTCATGCACG
TCTAGTGGGAGTGCGGCGATGGGCTGTTTGCAGCAGCATACTGGATTATGAGCTGTTGGACCTGGAGGTGCC
GACTATCAACATCGTGGGAAAACCTGATCAATGCAGGGATACAAGTGTGGTCTATAGTGGAGATCAAGATTC
CGTCATTCCACTCACAGGAAGTAGAACGCTTGTTTCAAACTGGCCAAAGAGTTGGGACTACAAACAACCGTA
CCTTATCGAGTCTGGTTTGAGTGGCAGCAGGTTGGTGGGTGGACTCAAGTTTACGGCAATATTCTTTCTTTGC
CACAATCAGAGGGGCATCACATGAGGCACCATTTTCAACCTGAAAGATCATTGGTGTGTTCAAGTCATTTT
TACAAAGTCAGCCTCTACCAGAAGCTTTCTGATAGATAATTCAGGTGAGCTCGTGATCGAAGAGAATGAAGT
TTGATCGCCTAAGTAATAATCTGAGAGTGAATTTATTTCCCATGTTATCCTTCAGTGTCATTAATCAAACTGGA
ATGGAAGATTTTGTAAAGGTCATCAGTAAAAAGGAGAAAATTGTAAGTAAAGAGAGGGACGAGCAGAGCTC
TTTTGTGATCTTTCATGAATTTCTGTAATTTCTATTTCTTGAGTCATCTTATTGTGAAAGCTCATTCGGACAAAA

ATGAGAATCAGTTGGAACCTTTGAGGGAAGAAGAGAGTTTTATTAGTGATGTATTTAGATTGTACAACATTTT
CTGCCAAGAATTTTCATAATATTTAACT

>trans_s_12460AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGATTCAATAAAAAAGTTGGCCATTCTCGGCATATTAATCATACGTTGA
AAACATATACGTAGATATTTTTCAACAAAAAAATTTAGAAAATGATGCGATTTACGAATTAATCGTACATCTCT
TTTTTTAATATCTTTAAAATATTTTTCTGAGATTCAAATATTTATCATCATAACTTATTTTGTTAGGACTAATTT
CTGTATTTAGCAACTCTTGTTTCGTGTCTTTCTAATTTTTTCAATTTTTTTAGTATGGTGTGTTCTATCAGTC
AAATCTTTCATTTTTTTTCTCTCAATGAAAAATTTGTCCAATCCATAGAACTAATTACAATGGACGAGTCTTGG
ATCATTCGATTACTAATTATCGAATTTTTCTGTTTTAGCTTGATTCAACTTGTATATTTCTTCAATTGAAATAA
TCGAATTGGGGTCTTTGTAAAAGTGCTTTTATTCCTTCTTTATCTTTATAAATAAAATGTTTTCGGTGACCTCT
TTTTTTTTCTTTTGAAAAATTTATAATTTCTTTGAAAAATTTTATAAACAACCTTTGTTCTTAAAAGTCTTCCAAT
ACACATCTTTGTCCAGTTTTTAAATTTTTGCTCTTTGCGTTATTAAGTCTGGGTTCAAAAAACGAAAGGTTTCTT
GTGCCAGTACCAAAAGGAAGGTCAGTTTCCATCCCAAAATTTGTTAAAAAAGAAAAATCCCTTTCTCTTTAT
TGAATCAGGGGATTCTAACCTAGATTTGGGCCACGGTTTCAGACGAAAAGGAAATAAGATCTTTATTTGAATA
CCGTCTGTTAACCAATTTTTTGAAATTCGTTTTCTGATAATGGAATACCATTATATGTGCACTTTATATGAATT
TCTTTATTCCAATTTTGAAAATCCTCATACCAGTCAGGAACTGCAAATAATAGCATACGGGTAAGGTTTTTAGC
TATTATCAATGAGGGTAAGACAATATATTTCTAATAATTGATTGAGTTATTAACAAAGAACCTCTTATTACTTG
AGCAATCGAATGCTATCCAGAGTTCTCCTATTTCTATACGTCTTTCTTCTAAGGTGCTTTCAACAACCTTTCTA
CTTTTTGCATATTTTCGTTCTCGTTTCTCTCTATTATTGCAAATAGTCAATTCTGTGTTTGTCCATATCCAAGG
TCTAAAAAGTTTTTTCATTAGACCAGGAATATCAAAAAACGAGATTTGGCTACTCTGTCAAAAAAAA

>trans_s_12461XM_002881739|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleoporin interacting component
family protein, mRNA

TATGGCACTTGAGTACTATGCCCAGGCTGCTGCAGCACTGGGCGGTGGACAGTTGTCATGGTCTAGCAGGGG
TAGTCTGGATCAACAGAGGCAGAGAACTTTGATGCTGAAGCAACTTCTTACTGAGCTGTTGTTACGTGATGGA
GGTATCTATCTCTTGCTTGGTGCAAGGGGTGCTGGAGAAGAAGGTGAATTGCGAAGATTTATGACTGACATG
AAATCTAGGCAGCAATTTCTACTTGAAGCTGCTCAACAGTGTGAGGAAGCTGGGCTTTATGACAAGTCAATAG
AAATCCACAAGAGAGTTGGGGCATTTTCCATGGCATTGGATACAATTAATAGGTGTCTCTCTGAAGCAATCTG
TGCCCTTTACGTGGTAGACTGGATGGGGAGAGCCGACTGCTGGCCTTATTCATTAGGCAATGACATTTTG
GAAGCATACAAATATTATCGTGAAATCAGCCTTCAGGAAAGAGAATATGTCATGGAACAACAGACCGTGTTAA
GACAACTGGAGGCAGTTCTTTCAATCCACAAGTTGGCCAGATTGGGTGTCATCTTGATGCTCTAAGGGAGAT
TGCTCGAATTCCATTTCTCCATTGGATCCACGAAGGCCAGATATGGCTTCTGATGTGTTTCAAAGCTTATCTCC
TCACATTCAAGCTTGTGTTCCGGATCTTTGAAGTTGCACTTACGTGTCTGGACAATGTGGCAGACTCTGACG
GATCTCTTCGTGCCTTGAGAGCCAAGATTGCAAACCTTCATTGCGAACAATTTAAATAGGAATTGGCCTCGGGA
TTTGATGAAAAAATTGCTCAAACCTTGTAAGCATGAGACTGCAGCATTAGAGGCCAAAAATGGAACTGC
AACTATGTGGCAATGGAAATGTAGCATACTTTTAGGCTTGATGATTGTGTAAGAAGTACAAAAGAAAAAGG
AAAATGAATTTGAGGGATGTTGGGAGAGCGGCCTGTTGATTTGCGCCGTTTATGTTTCCCAACAGAAAACT
AATTGTAAGTTTACAAGCTCATTTTAAATGTTTCTTTTCTTTAGTTTTCTTTCTTTTGTGGAAAAGCTAGAG
CAGAAGAGTTGAAAAATGGTGCCAAGTTTAGGGTTTATATTTGATCAGATGTGCTGTGGATCTGTATCTATTCT
TAAATATTAAGAAGAAGACTGTTTTATTGATTGTATGTATAGAGAATTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_12462HM122518|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL7)
mRNA, complete cds

CTGTCGATGCAAACGGTAACCGGCCTGGTGATTGATTGCTCCTGATTTTACTTCAGCCTTTCATTCAAGGAAA
AAAACATTACAACAATTGCTAAATGGTCATGAAGAAGGTCTTAGTTCATCTGAGGCAATATTTTACGAGAGAG
AAACATTGGAGCCACTGGAGCTTTCAACCCTTCGAGCTTCTCGAGATGGGACGGAGAAGAAAAGAGTATCCAG
TCGATCTCTCACTTCCGGACATCAAGAACGGAATCTATAGCACGGATGAGTTCAGAATGTATACTTTTAAGATC
AAACCTTGACAAGAGCTTACTCTCATGATTGGACAGAGTGTCTTTTGTTCACCCTGGCGAAAATGCAAGGA
GGCGGGATCCGAGAAAAATATCATTACAGCTGCGTCCCATGTCCGGAATTCAGAAAAGGAACATGTAGGCAAG
GGGATGCCTGTGAATATGCTCATGGAATATTTGAATGTTGGCTCCATCCTGCTCAATATCGTACCCGCTTTGT
AAGGATGAAACTGGATGTACCAGAAAAGTCTGTTTCTTGTCTACAAGCCAGAAGAGCTCCGCCCTTGTATG
CTTCAACCGGTTCTGCTGTACTGTCTCCAAGATCAATGTGGTCTTCACTAGACATCGCTTCGATCAGTCCACTT
ACCCTTGGTTCTCCTTCAGCTTTGATACCTCTTTGTCAACCCACCTTTAACTCCTTCTGGAGTTTCTTCTCCAAT
GGGTGGAACCGTGTGGCAGACTCAGTGTAAATATTGCTCCCCAACCTTGCACCTTCCAGGTAGCAGGCTAAAG
GCTTCTTGAGCGCAAGAGACGTGGATTTAGATGTCGAGTTACTTGGTCTCGAAAGTCAACGCCGTAGACAAC
AACAGCTAATGGATGAGATGTCCTGTCTACCTTCCCCTTCCAGATGGAACAATGGCATAACCAACTCCTGCATCT
TTTCTTCCCCAAGGAGTAGAAGTGGAGAAGTGAATGGTCTTGGAGGCATGAAGCCAACTAACTCGAGGAC
ATTTTCGGGTCTGTAGATCCTGCAATTTGCCTCAATTACAAGGACTTTCATTGGATTCTGTGGGATCTCAGGT
ACAATCCCCTTCTGGAATCCAGATGCGCCAAAGCCTGAATCAGTCTTTCCTCTCAAGCTATGGTAACAGCATTG
GATCCCCTCCTCAAGGTTGTCTCAACCATCCGTGTCTACTGCAGCCAGTGTCTGAGTTCTAGAGCTGCTGCN
TTTTGCAAGCGTAGCCAGAGCTTTATC

>trans_s_12463GQ377252|Populus trichocarpa lambda class glutathione transferase GSTL1 mRNA,
complete cds

ATTCTGTGCTTAATCCAATTTAGTTGACAATTATGGCAACTTTGACACTGGGCAGCACCATCGGCTTCTCCCACT
CTTCGTCTTCCTCAGATATCTCTGCTTACTGTATTCCCTCTTCAACCACCAGATTCTGCTTCTCCAGCATCATTCTT
TCTCCTCTCAAACCTCAAAAACGAACATCTAGAAGAAGAGCTAGAGCTCTAATTGCAGTGAAGTGGCTGCTC
AAGCTTTTCAGGAAGTTCTTCTCCAGCCCTCACTTCAGTTTCAGAACCACCTCCTATCTTCGATGGAACAACGA
GGCTTTACATATCTTATACATGCCCTTATGCACAGCGTGTGTGGATTACTCGGAACTGTAAGGGTTTGCAGAA
AAGATACAATTGGTTCCTATAAATCTACAAGATAGGCCTTCATGGTACAAGGAAAAAGTTTACCCACTTAATAA
GGTTCAGCTCTTGAACATAATAATGAAGTCAAAGGAGAGAGTCTTGACTTAATTAATATATTGACAGCAAT
TTTGAAGGCCCTTCATTATTTCTGATGAGCCAGGAAAGAGAGAGTTTGCTGAAGAGTTGATAAACTACGTGA
ATTCTTTCAGTGATCTGTGGTTTCTTCATTTAAAGGAGATGGAAACGAAGCTGATGTGGCATTGACTACATC
GAATCTGCTCTTTCAAATATGGAGATGGTCCATTTTCTAGGCCAGTTTAGTCTGGTGGATATAGCTTATGC
TCCGTTTATTGAAAGGTTTCGGCCGTTCTTATTGGAAGTAAAAACGTATGACATCACTGCTGGCAGGCCAAAA
CTGGCTGCTTGGATTGAGGAGATGAACAAGATCAAAGGGTACCAACAAACAAAGCGCGATCCACAGGAACAT
GTTGATAGTTATAAGAAGCGATTCTTGAGCCGTTTGTGAAAGCCACAACAGCATAGGGTCCCCCACGTGCTGT
CACGTGTGGCTGTTGCTGCTTGTAAATCAGATAGCTTCATGTGTAACATTTAACAATAAAGGAACCTCTTAGAT
CATTGTACCTTTTTTTTAAATTTTCTAGAAAGTACCAAACTGAATTGGTCTAATTCCAACCAAATTTGGTTTCAT
TTGAAATGTATTTTACAAATAAAGGGAACCTGTTTGGTTTATAAATTGTAAGTTGAAAAGCCAAGTTTGGTTC
AGTTTTTGCAAAAAACAAAAATAAATCTAATGTAATTTTAGTTCTATTTCATTTTAGTTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12464NM_127092|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT2G15320)
mRNA, complete cds

TTTAGCTTCTTGAATTTCTCCGCCGATCCCTGCGCTCTCCCTCGCCGCACCTCCTTTTCTGCGGCCTCCTCTGC
AACTCCGCCGCCACTCGCGTCACCCAACCTCACCTCGACCCTGCCGGTTACTCCGATACTTTCTCCACTTATCTC

CAAACCTTACTTACTTGACTGTTCTTGATCTCTCTGATAATTCCTTCTCTGGTTTCATCCCCTCTGCAATTCCTCTC
TTTCCAATCTCCAAATCCTCACTCTCCGATCCAATTCCTTTTCTGGATCCGTTCCCGCTTCTATCTCCAATCTCAA
ATCACTTGAATCTTTGGATTTTTCTCATAATTCTCTCGCTGGGAATCCCCCAAATCTCTGCATTTTCTCTCTTTT
TAAGACGTCTCGATCTCAGCTTCAATCAACTCACCGGCTCTCTCCTAAACTCCCACCTAACTTGCTTGAAGTCG
CCTTAAACGAAATTCCCTTTCTGGGTATTTGGATAAATCGTCTTTCTCCGACTCCAATCAATTGGAAGTTATCG
AACTAAGTGAGAATTCCTCGCCGGAACCTTACCGCCTTGGTTCTTCCTCCTTCTTCTTCAACAGATCAATC
TCGCTAATAATAGTTTTACCCACATCCAGATCTCCCCTGCCACCACTGGTGGTGCCGATCTTGTGCCGTCGATT
TGGGCTTCAACAGAATCAAAGGGAACGTGCCAGTGAATTCGCCACCTATCCGGCGTTGCTCTCGTTGTCGCT
CCGATACAATCGGTTACGTGGCGCGATCCATTGGAATTCAGTAAGAAGAAAACGATGAAGAGATTGTACTT
GGACGGGAACTTTTGACTGGGAAACACCGGCGGCATTCTTCTCCGGCGGTGAAGATCCAGTTTCTGGTAGC
TTGGGGGATAACTGTCTGCAGGGATGTCCACAGTCATCTCAGCTGTGCGCTCCCTCGCAGAAGCCGAATGCG
GTTTGCAAGGAAGCGTACGGAACGGGAGGGGAAGAGGAAAACCGATGCCCTGAAACCGACATGTCGGTCA
ATTATATTAATTATATAGGTTCTTTTTTTTTCTTTTCTTTTCTTGAATTTACGATGCTTCGGTCTTTGTATA
GTTTGGGGTTTTCTTTTTTTTTTAATGTACTTTAAAAATGTATTTATTTAGAGTTTGAATTTTTAAATTTAA
TAAATAAATTATAAATTTGAACACAAAATAATATGTTACATTAAATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_12465NM_113787|Arabidopsis thaliana oxidoreductase/ zinc ion binding (AT3G28670)
mRNA, complete cds

AAAGGCGGAGTCAGTCAACCATAAATGCAGTGGAAGAAACGAACCGAGCGATTACTGGCGGGAAGGGCTGA
ATAAAGAAAACGCCATCTGAATTGCCGCGGTGAAGCACCGCCACAGTCTATAATGGTGAAAACGTGGTTCGG
AGAAGAGTCACGGCTCAAAATCGTCGAGAATCGCCTCGCTCAGTCCGCAATTCCATCTGAGATCGGCCTTGTG
ATCGGACGACTTAGCTCTCCATTAGATAGAGTTTCGTTTTCGATTGGTCCCAACTCCTCTCAACGATGCCGG
AGAGGCGGCTTGTTCCCTCGTCGGCGCCATTAAAGACGATAAGAAGAAGGGATCGAAAGGAAAATCTCCAGC
TGTCGATTCATCGTCTTTGGTTATCGACATGGATTGGGTTGCTGAACATGCTCGACAGGTTCCGAGAATGCTA
CCGGGTGGTGTGAAGGTGATTGGCATTATGTGTGGGCTAGTGAAGTGGCGGTTAAGAATTC AACCCCTAATG
CTCTGCCAGGCTGTAAAGGCTGTTGCGGAAGCAGCACCATTTTCAGTCAATGACTTGGAGGAAAAGACTCCTCA
TCCATATCTGTTATAGTCCAAGGAGGTGGACATGTAGGAATTTCTTTTGACTTCAAATCTCACATCAAACAGC
TTGCGTCCTTGTGATTTTAAATGGGAAGAGTCTTAACATCACTTCAGACGTTTAAGTGTATGTTCAACTTTGA
TATGAGGATACCTGTTTGGAGGGCATCAAATATCCAAAGATTAATAGATGTAATTCGTAATGGAATTTCCATT
AAGCTGATGTTCTAAAAGGTGCAAAGGCCGTGGTTGACGGAAATCTGGTTGTCAGCGATGACCCTTCAATTAT
AGGGGACTTGCATGAAATTGAACTACTCTACCATTCTGAAAAATACGTCTTTTGAAGCGTCCAGCCAAAAA
GATGTTGATGGTATCATGGTCTTTAGAGGCTCTGTTTGTCTTTGCTATTTGAATTCGAAAGAGCCTATTTCC
GAAGCTGTAATGGAATAAAGGGAGATATCATCACAAGTTTACAAAGTAGATTGGCCATAATATGTGATGAG
GTAGATGCAGATAAAGATGTATCTAATGACGTTACAGGGATGCAAATGAAATGACATCAGAACAACACGTTT
CTCAGCTCTTCCTTCACTCATTAAGGAAAAAGTGATCTCTCATTTCTCGAAGAGTATTTATTCCTTGGTTGG
CAGACATTTACATTTGCGACTACTTGCAACCATC

>trans_s_12466XM_002329656|Populus trichocarpa argonaute protein group (AGO911), mRNA

AACGTGGCCTTAAAAATAAACGTTAAGGTTGGGAGAAGGAATACGGTACTTGTTGATGCTTTATCTAGGCGCA
TACCCTTGTTAGCGATCGACCTACCATTATATTTGGTGCCGATGTAACCTATCCTCACCCAGGAGAAGACTCG
AGTCCATCCATTGCTGCTGTTGTTGCTTCTCAAGATTGGCCCGAAGTTACAAAATATGCTGGTTTGGTTAGTGC
TCAAGCCCACAGGCAAGAACTTATTCAAGATCTTTCAAACATGGCAGGATCCTGTTAGGGGGACAGTAACG
GGTGGAATGATCAAGGAACTCCTCATCTCCTCCGTCGAGCAACTGGACAGAAACCTCAACGCATTATATTTTA

CAGGGATGGGGTTAGCGAAGGACAGTTCTACCAAGTTTTGTTGCATGAGCTGGATGCCATTAGAAAGGCATG
TGCTTCTTTGGAACCAAACCTACCAACCTCCAGTGACATTTGTTGTGGTACAGAAGCGACATCACACTAGATTGT
TTGCTAATAACCATTCTGATCGCCATGCGGTGGACAAGAGTGGGAACATATTACCTGGCACGGTTGTTGATTC
TAAAATTTGTCACCCTACGGAATTCGACTTTTACCTTTGCAGTCATGCCGGAATCCAGGGTACAAGTCGTCCTG
CTCATTACCATGTTCTATGGGATGAGAACAAGTTCACTGCTGATGGATTGCAGACTCTAACGAATAATCTTTGT
TACACATATGCTAGGTGTACTCGCTCCGTTTCTATTGTGCCCCAGCGTACTACGCCCATCTTGCTGCTTTCCGA
GCTCGTTTCTATATGGAACCTGAAACCTCTGATAGTGGGTCAATTAGCAGTGATGCTGCTGCTGGACGTGGTG
GCGTTGGTGGTGCTCGCAGTACACGGGCACCAGGGTTGAATGCTGCTGTTGACCTTTGCCAGCTCTGAAAG
AGAATGTTAAGAGGGTTATGTTCTATTGTTGATGACTTGTTTTATTTACTACCACTAGTTTCTCTCCAAATCCT
AAGTGTGTCGTTTGTTCCTCCCGAGCTTTGGTTTGAAGGTCTCAAACTCTCCCACTCGTGTGTGATTAAC
TTAACACTTGGTTTTCGCAGCTTGCTTTGTTATTCGTGTCTTACAACTCTCAAATTGGTGGCTCATGTCTCCCT
TTGGTGCCATGCTTTGCCTTCCATTTGAGTCTTATTATGTCAAACACCAGATTTTATACTAGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12467NM_147251|Arabidopsis thaliana GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family
protein (AT2G06025) mRNA, complete cds

GAGCCAAAGAGGCCGATTCTTCTTCGTCTTCCACCGCAACGCAGCCCAGTGCCGGCGTTAGGGCGGATTCTG
GGATCTCCGATCGTCTTCTTCCTTGATTTTCGATGTGTTTTGCTTCTTTTACCTTCAATTTGTTTTCTGACGATT
TTCTTTTGTGAAGAACAGGGGGATTGTTATTGCCCTTCCGGTTTCTTCTTTGTTCTGTTCCGAGGGTAAAG
AATTTGTTATTAGTTTCAATGTCGGCGGCAATCTCAATTTATCGGCCGAGTTCTTGGGATCTGTCCAAGATGG
ATGCCGGAATCATCTCAAATTTCTAGAACCTTCGCCTTTGCTTCGTGGAATATGACAATGGATTATAAATCAC
ATCAAACGATGAAGAAGGAAGAAGTTTCTATTAGATTTCACGCCACTGTTGCAGCCAAAGTCGAAACCATT
GGCGTCGAACGGGTACAGTTCGACCGGCCGCACTGGACGATGAAGATTGGTTCACCAAAGAAGATTAGA
GTTTGGTCAATTCGTAGCAAGGGAGGCTGTGATTGATGAAGAATTGTGGACAGCGGCATGGCTTCGGGCTGA
AAGTCATTGGGAAAATCGACAAAATGACCGATATGTTGATAGCTTCAAAGGAAATTTGCAGAACAGGAGTT
CAATGCTATAAAAAAGAAATGTGGTGGGCAATATGGACAGACATGTACATGCATTGTTACGGTAAGGAAGGA
GCAGAAAGCATATAAAACGTACAGTGATTAAAAGTGTAGTAGCAACTCTTGATCTGTGCTTGAGGCATTTGATG
CATGGCGAAAGTTTTCCAGGGGAAAGAGAGAAGAGTCATGTATGCAGCATCAACAAAGAGATACCAAATAAA
TATGCATACATTTCAAACCTATGTGTATTGAAAGCAGCACGTCGTCAGGGTATTGCTGGCAATATGTTGAAGTT
TGCAATTTTAAACAGCAAAATCCAGGGGTATCAAACAGGTATACGTCCATGTACATAGAAACAACACACCCGCC
CAAGCATTGTACCAAAGATAGGCTTCGAGGTGGTCGAAATAGCAAGTTCACAGTTGGTAGAAGAACAACCT
TACCTTCTATGTCTTAACACAGAGAAGCTAAACAATGCACATTGATGTTGATATTATTTATAAAAGGTCCTA
GTATCGACAATTGAACTCACAAAAGTATGAGCGCAATAAAATTTGTTGTGTGAAAGTAAAGTCAATTCTA
CCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12468AJ306557|Helianthus annuus hsp17.6a gene for 17.67 kDa heat-shock protein and
hsp17.6b gene for 17.6 kDa heat-shock protein

ACACAAACCCATCTCAGTTTCTCTCAAGAACACCAAAATAAACGAAGTTTACACATACCAAAAAAGAGATAAA
GAAGAACACACATATTAAGAAAGAAATGAAAAAAGAAGATGATATATTCCAAAGATGACCTCTTAGGAAAT
GATAATAATGATATTAAGAATTTGAACTGTTCTTCTGATCTTCAAGCTCTGGCCTTGAATGGAATGGCTCTG
ATGATGATTTGGTGGTAAATAGCAGCCAAAGCAGCTCCGATGAAAGGTCCACCCAGAAGATCCAATGGTCA
TCCAAGCGTGTTGCCTGTTGTAGATGATTGCAGCTCCGAGACTCCTGGCCGGATTAATGCCGGTTCCGGTGA
TGGGAATGGTGGCCAAATGAACCAAAAACACTGCAAACCAATGGGAAGAGGAGCCAAAATAGGGACGTGA
GAATCTCTGGCATTCTCTTAGCATCGGTGGCGGAGAAGACGGTGTAGACGAGCCTCGTGCCGAATCCGCAA

AACCACTAATTCTACCAAGATCATTGTTGAATTCCATCAAAGCGCTTCTAAGTTTCGATTTCATTCTCCAATTC
AAGTCCGATTAAGTTGTTCAAACCTAACCTACGAAGATGTCGATGATTCCAAGCTTTTTCAATGGCCGACAGA
GCAGTGTCTTCGATCCATTTGCCACGTTTCGACCTCTCAGATCCATTCGATTTTCACTTCCCTTCTCAATTTTCATC
TCACTTTCCCGAAATCGCTCGAGAACTTCAGCTATAGTGAACGCTCGTGTAGATTGGAAGGAGACGCCGGA
GGCTCATGTTCTGAAAGCCGATCTGCCTGGACTGAAGAAAGAGGAAGTGAAAGTGAGATTGAAGACGGAA
AAGTGATTGAGATTAGCGGCGAACGAAATGTAGAAAAAGAGGATAAGAACGAGAAATGGCATCGGATAGAA
CGAAGCAGTGGAAAGTTTCAGAGGAGATTTAGGATGCCGAGGATGCGAAAACGGAGGAAATTAGGGGCATC
AATGGAAAACGGAGTTCTTACTGTGACGGTCCCGAAGGCGGAAGGAAAGAAAACAGATGTGAAATCCGTTG
AGATTTCCGGCTAACTCCGAGTTATCATGTGAATTTGTAATAATGAATCCATGTAACTGTCTTTGTGAAAT
CTGTACAAATTACTTTGTTTAATATGAATAAAAGAATCCATATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12469AY104162|Zea mays PCO135861 mRNA sequence

AACCTTCCTCAAACGCACTCGTTCTCAGCTTTCTCCCCCTCGCGCTTTTCCAATTCAGCTTACATCTTCATTCTT
CTCGATCTCCATAGCCCCACAAACCGAACTCGATTCAACAATCACCTCCACTACGTATACTACAGATCATTAGA
CATCGACTAGCGATCTCGCCGTCGTCTATTACGGCGGTTGATTCCGGTATATCTAACCGATGCGATTCTCGG
GTTGAGAATTATCGAACTCTAAGGGGATTTAATGGCGTTGCAAGAACAATTAGATAGGTTTAAGAAACAGC
AAGAAAGATGTCAGAGTACTTTGTCTGGCATTGCTGCATCCAAGTCTGTATCCAAGTCTACACCCAAGTTTACG
CCTGCACCCGCTGCTTCCATTGCAAGACCTCTGGCTCCTGCTGTAAATTTTCAAATGATACTGAAAGACTTCA
ACATATTAACAGCATAAGGAAGTCCCCAGTCGGGGCGCAGATCAAGAGGGTTATTGACCTGCTGCTGGAGAC
AAGGCAAGCCTTTACACCTGAGCAAATCAATGAAGCATGTTATGTTGATATAAATTTCCAACAAGGCTGTCTAT
GATAGTCTGCGGAATAACCCAAAGGTGCACTATGACGGGAGGCGTTTCTCATACAAGTCCAAGCATGACCTG
AAGGATAAGAATCAACTTCTTACTTGATACGAAAATTTCCAGAAGGCATTGCTGTCATTGATCTCAAGGATGC
GTATCCAAGCGTTATGGAGGACTTGCAAGCCCTAAAAGCCTCAGGCCAGGTTTGGCTTCTCTCAAACCTTCGATT
CACAAGAAGATATTGCCTACCCAAATGACCCACGAATTCAAATCAAGGTAGACGATGATCTGAAGCAGCTCTT
TCGGGAGATCGAATTACCTCGTGACATGCTTGATGTGCAAAAAGGATCTACAGAAGAATGGGATGAAGCCTGC
AACCAACACTGCAAAGAGGCGAGCCAACGCACAACATGTAGCATCTCAAAACCCAAGCCGAAGAAAAAGAA
GCAAGAAATCAGCAAGAGGACTAAGCTACTAATGCACATCTTCCCGAGCTCTTCAAAAAGTACAGAACCGTA
TAGGCTGGCCTGCAACAATATATTTTGTATGGATAATTTATGGACTCTGTAGATAGGATTCAATCATTCTTCT
GTTTGGTGTATTGCCTTCTATTTTCCATGATCTCATCTAGAAATGAAATGCTCCTGTAATTTACTCCAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12470XM_002890819|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 4
(ERD4), mRNA

AAAAAAGTTGACAGCATAGAATTCTACTCTGAAAAGATCAATGAACTACTACCAAATTTGGAACTGAACAGA
AGGCTACTCTCAGAGAGAAGCAGAAGAATGCTGCTTTAGTCTTCTTTAAACAACCGGACAACAGCAGCTTCTGC
AGCTCAAAACTTACACGCACAAATCGTTGATAAGTGGAAGTGTCTGGCAGCTCCTGAACCCCCAACTCGGCGA
TGGCCTAATCTTTACATAAATTTTATTAGAGGCAAGTCAGACAGTATGTTGTGTATGTCATTGTGGCCCTGAC
GATTTTCTTCTACATGATTCCAATTACTGCAGTTTCTGCTGTTACGACTCTTGAAAAGTTGAAGAAGTTTCTGCC
ATTTTTAAAGCCAGTTGTTAACATAGGTGCACTCAAGGCAATTTTAGAAGCTTACTTACCTCAGTTAGCTTTGAT
TATCTTCTTGGCTCTGCTGCCAAGTTACTGCTCTTCTATCTAAATCTGAGGGAATTCCTTCAGAGGGACATGC
AGAGAGGGCTGCTTCTGGGAAATATTTCTATTTACAGTGTTGAATGTGTTTCATTGGAGTCACTTTGAGTGGT
GCACTGTTTCAGAACATTCAAGAGCATCCAGAAGGATCCAACTCTCTGTTCCCTTGTTGGCAAGTAGTCTCCC
TGGCAGTGCAACTTTTTCTTACCTTTGTGGCTCTAAAGTTCTTCGTTGGTTATGGTCTTGAAGTATCTAGGAT

AGTTCCCCTTATCATTTTCCATTTGAAGAAGAAATTTCTTTGCAAATGTGAAGCTGATGTGAAGAATGCCTGGA
CTCCTGGAGATCTTGGCTATGGAAGTAGAATTCCCGGTGACTTGCTCATTTTTACTATAGTCCTCTGCTACTCCA
TCATAACACCTCTGATTGTTCCATTGGTGTCAATATTTTGGTCTTGGATGGCTTATTCTTCGCAATCAGGTAA
CATAAATTGGTTGTAAATGTAACAACCAAGCAATTTTCTGCCTTTTGGATCATTCTTTGTTGCTGTGTTTCAT
GTATGACCTTGTTTTACAGGCCCTGAAAGTTTATGTTCTTCTATGAGACCTATGGAAGAATATGGCCACAT
ATATTCAACCGGATTGTGGCGTCTCTCCTCTGTACCAACTTACCATGTTTCGGTTTCTTCGGAGTGAAGAAATT
CTACTATGCTCCAATCTTAATTCCACTCCCCATAATCTCCCTGATATTTGCCTTCCTTTGTCACAAAAAGTTCTAC
CGATCTTT

>trans_s_12471DQ631803|Mangifera indica 6-phosphogluconolactonase mRNA, complete cds

ATTATATATTAGTTTCGTGCCGATGCTCGTTTTCTCCGCCTTCTCAGTTTCTTCTTCTTTGCAACTGCAACCC
ACCTTCCATCTTTCTTCTAATCTGCGATTGTAACTTTGTGAATTATGGCTCTATGTGGGGATCATAAAGATA
GAGAAGTGAGGATCCATGAAAGTTTGGAGGAGCTAAGTACTGATTTAGCTGACTATATTGCTGAATTATCAGA
GGCATCTGTGAAAGAACGTGGGGTGTCTTATTGCGTTATCTGGTGGTTCTCTGATTAGCTTAATGGGAAAG
CTCTGTGAAGCTCCTTATAACAAGACTGTCGACTGGGCCAAGTGGTATATATTTTGGGCTGATGAACGTGTTG
TTGCAAAAAGCCATGCCGACAGCAATTATAAGCTTGCAAAGGATAACCTTCTTCCAAGGTTCCAATTGTTCCC
AGCCATGTACACTCGATCAATGATTCAGTGTGAGCTGAGGAAGCTGCTGATGAGTACAAGTTCGTCATTTCGAC
AATTAGTTAAATCCCGCATCGTAAGTGTGTCCGATGTGAGTGACAGCCCCAAGTTTGACCTCATACTACTTGGA
ATGGGTTCTGATGGTCACGTTGCCTCATTATCCCTGATCACTCGGTGCTCGAGGAGAAAGATGAATGGGTTG
CCTTCATCACCGATTCTCCAAAACCTCCACCAGAGAGAATCACCTTCACATTGCCTGTGATCAACTCTGCATCAA
ATGTGGCAATTGTTGTGACAGGTGAAAACAAAGCAGAGACCGTACATTTAGCCATCGACGACATAGGACCAG
ACTGCCCCACTCTACCTGCAAGGTTGGTACAGCCAAGAAAAGGAAAAGTACATGGTTTTTGGATAACAACGC
CGCTTCAAAACTCGACAATTACCAATTTTCCGAGTAGGCTTAAACCGGTCCCAACACAGTGATCTCTGTATGT
AGTTGATGGATTTCAGCAGTTGTGGATCCTTATCTCTTCATTTTCAGTCCCACATTAAATTTCAACCCCCCTTCCC
TTTTAATTTTGGGTCACATTCTCCATATTTTGACTTCTCTTCATCTCTTTTCTCGAGTGATTAGAAGTGTGAATCT
CCTTTTCATTTTGTAAAGCAGAGCTAAATAAGTTAATATCAAAAGCAGATGGTTTTGTAGGACAATTGCTGCTAT
GTATATTTTGAAGCCAGCAGAAACATCAATCCAATTTGTAAAAAGCAGCATTCTTCACAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12472NM_001050608|Oryza sativa Japonica Group Os01g0717000 (Os01g0717000)
mRNA, complete cds

AGAGATGATGAGATAAGAACGTTTGAATGCTTGTCGAAACATGGTCAAGGACCTCGTCTTCTTGGGCGATTCT
CTCACGGAAGAATTGAAGAGTTCATCAATGCGAAGACACTATCAGCAAGTGATCTTCGAGATCCAAAAATATC
AGCAATAATAGCAAGTAAATTAAGGGAGTTTACAATCTTGACATGCCTACTCCAAAAAAGGTTGCCCTTTGG
GATAGAATGAGAAATTGGGTAAGTGAAGCCAAAAGATTAAGTTCACCACATGAAATGGAAGAGTTTTGCTTG
GAGAAATTGGATGAGGAAATAGATTGCTTCAAAGGGAAGTCTCAAAAGATTCTCAACATATTGGCTTTTGTCT
ATAATGACTTGCAATATGGCAACATCATGATGGATGAAGACACATCATCAATAACCCTTATTGATTATGAGTAT
GCAAGTTACAACCCAATAGCTTATGACATTGCAAATCATTTTTGTGAAATGGCAGCAGATTACCACTCTAAGAC
TCCCCATATTTTGGACTATACATCATACCCAGAAGTTGAGGAACGTAAAAGATTTGTTAGAGCATATCTGGCCT
CATCAGGTGAAAATTATGGCAATGAAGAAGAAATGGAGCAGCTAGTAGAGGATGCCGAGAGATACACTTTA
GCAAATCATCTCTTTTGGGGCTTGTTGGGCTATTATTTTCAGGCCACATAAACAAGATTGATTTTGACTACTTTGA
GTATGCTAAGCAGAGGTTTGAACAATACTGGCTAAGAAAGTCTGAGCTCTTGGTTTCTTGGTCACCTTTATCTC
AAGTTGAATGGATATGAACAAAGGCGTCTCAACTATACATATGAATTTGAAGAAAGATGTCAAGATTCAACTT
TATATTTATAATAAAGAAGTCTCATTAAATGAAAACAAGTCGAAGGAATTACACAAGAACCAAGCTTGATTT

AAGGAACAAAGATTTACAAGCTACTTCAAGTGAGGCTTCATTAATTTATTCCTGCATGATTACAAATTCATGG
TTGAATGATTAATAAATAAATATTTTCGGATGTATGGTGTCTATTAACGTATTTTTAAAGTTTATTTGCTTTGTA
GGTTACATATAGCCTATTAATAATCATAAAGTTGAAATATGAACTCTTACAATGCCTCATACAATCTCTAAGGTTT
CATTTGGAGGCTATATAAAGCGATGTAATTGTTATATGAATAATATGTTAAAGAAATTATAAACTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12473BT011791|Arabidopsis thaliana At3g56510 mRNA, complete cds

ACAGGTCACTTCCCAGCCACAGCGCAGCTCGACCGCTGCAGCTCCGCCGGAAGACGACCAAACCGCCACT
ACTCGTCGGTCAATCCTGCCATATCAAAATTTGATGGTGTTCGTGTGCAGGAGACGCCGCGCTCTGGAGTTTAA
GCTTGCGCGCCACCGTTCACCGACGTACACCAAACCCACGAATCTGGCAGTAGCTTAGTTGTTGGCTCGCGT
CACTGGCTTATATTTGTCTTGTGCCGCACTGCGAACACCACGTGGCACCCCCGTTCTCGCTAAATTTTGGCTTT
CGGGAAGATGTCCAAGGAGGAGAGTTCTGAAGTTAATTTAACAACTGACTGCAACCCAGAATCTAGTAAGAA
AAGAGCAAAAAGTAGAAAAAACAAAAGAAGCAGTTATTGATGAAAGGTGTAGATGTCATGGAAATGAAAG
ATGTAAGATCTGTTCACTGGGGGAAAGCAACATAAACTCTGATAGTGACAAAGTGAAAAAGAAGAAAAAG
AGAAAAAAGAGTACTCAACAACGTATAGAGGAGAGCTCTATCAAGGATGAGGCAGGAGAATATGAAAATAG
AACAGAGACTTTTAAGAAAGAGGCTAGTCCTGTCTCTAATAGTGGAAGTGAAAAATTTTCGAGAAGAGGAA
AATTGCTTTGGAAGATGCTGAGAATGAAAGGACTGACAACATACTTAGAGAAAAATCTGATAGGAAGATTCT
AGAGTCCGACAATGGAAAAGTTGATCGAAGGAAAATTAAGAGGAAGAAGCAGCTCTTAAAGGAAGCAGCAA
ATGCAGATATGCGTGGTATTTGTTACTTGAGTCGAGTTCCTCCGCACATGGATCCTTTGAGACTTCGTCAGATC
CTCTACAATATGGGGAAATACAAAGAATTTATCTTGACCCGAGGATGCTGCCAGTCAAGTGCAACGAAAGC
GTGCAGGGGGATTTTCGAGGACAGTTTTTTCCGAAGGATGGGTTGAATTTACTGATAAAAGAGTTGCCAAGA
AGGTGGCTAATATGTTAAATGGTGAACCCAATAGAGGAAGGAAAGAGTCATCTTTCTATTACGATCTCTGGAA
CATCAGGTCTT

>trans_s_12474FJ038254|Gurania sp. MAG-2009 voucher BR2459 RNA polymerase beta subunit
(rpoB) gene, partial cds; chloroplast

ATATTGTTTGTAGATGATTACGATACCGCATCTTCAAAATTGTAACCTTCCCATGGCATATAAGCTACTAATACG
TTTTTGCCCAAAGCAAGTTCACCACCAACTGTAGCAGCACCGTCCGCTAAAATTTGCCCTTTTT

>trans_s_12475X15886|Gossypium hirsutum chloroplast rbcL gene for ribulose biphosphate
carboxylase oxygenase large subunit

TCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGGCTGTTGTTGCGAGAATTCTTAATTCATGAGTT
GTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTGGATTCAAAGCTGGTGTTA

>trans_s_12476AL161542|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 42

TCCCATCTTCTATGATAAAAGCGGCATACCGAAAAAGAAAAGTTTGAAGTGAAGAAAGCATGTCCGAAACCCC
GCAAAGAAAGAAGCAGAGCAGAGTCTGAGAATTCCATAGATTCAGAAAAGCTAAAGAAAGCCCTTG

>trans_s_12477NM_001111777|Zea mays glossy1 (gl1), mRNA gb|AY505017.1| Zea mays Gl1
protein mRNA, complete cds

AAAAACGTCTCCATGGCTGCGAGCAGCTTGGTATTTAGTAACCTGAACCAAGTAGTTCTGACAATCTGCAGGT
GCTTCCTTTTGTATTTTCTCAAACTTTCCGTGGAAAGTGTAAGCATAAGGACTCGAACTCTCCTT

>trans_s_12478Novel Gene

CAGTTTAAAGTTTGTGTTGATTAATATTGTGTCAAGAGATGTAGTTGTTTAGTTGTTGCTTAATGACCTTATAGCA
TTTGGTTGTGTTTGGTTTTCTATTTAAATTTGGTTTGTGATTATCTTTCAAACCTTGGGGGT

>trans_s_12479GU345781|Cucumis sativus nitrate reductase mRNA, complete cds

AGTTGAACATAAACTCAGTCATAACAACTCCCTGTCATGAGGAGATTCTGCCTATCAACTCCTGGACCACTCAG
AGGCCCTACACCTTGAGAGGCTATTCTTATTCCGGTGGTGGAAAGAAGGTGACACACACTAGAAC

>trans_s_12480AY611534|Cucumis melo RFLP marker NBS47-3 genomic sequence

AAATATGGCATGAGAATCATGGAGTAGAGATGATTAATAATCGACTGAGTGGTAGAAAGGTTCTTATTGTTCT
TGATGGTGTCTGAAGAGAGAAGGCAGTTAGAAATGTTGGCTGGAAGCACTGACTGGTTTGGTCTCTGG

>trans_s_12481EU366147|Phyllostachys edulis chloroplast chlorophyll a/b binding protein
precursor (lhca3) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CCAACTGCGGCCCCGAGGCTGTCTGGTTCAAGACCGGAGCTCTACTTCTTGATGGAAACACATTGAATTACTTT
GGAAACAACATTCCCATCAACCTCATCGTCGCCGTATTGCCGAGGTTGTTCTTGTGTTGTTATG

>trans_s_12482D26578|Daucus carota mRNA for DNA-binding protein (transcriptional regulator),
partial cds, CHB6

AGTAGATTCGGTACCAACATGGACTGAAACTCCCTGCCATAAACGTGGCTGTTTCTTGGACTCTGTTCTCTGA
AGTAGGACAGACGGACAAACACTACACGCCTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCAAGAGT

>trans_s_12483DQ458770|Citrus bergamia pectin methylesterase (PME) gene, partial cds

TGTCAGAACCTTTTACCGTGCGGCGTTGCCGAAATGAAATCGACGGTGCCGGAGACGAGACAGTTGATGTA
GAATTGACGGTTGGAATGGACGTAGAGAGTGTCTTGTAAGCTAACATGTCGCATTGGTAGAAGGCT

>trans_s_12484GQ456944|Pyrus sinkiangensis S-haplotype-specific F-box protein (SFB) mRNA, SFB-
v allele, complete cds

CAAACATGTCATTACCCAGATAAGCAAGAACAGAAGGAAACTGACCGGATCCTCATGAGCTGCAGCCTTTGC
AAGAAAACCTATTCGGTAATCAAACCATTCAGAACATCGAAAAGCTTGAAAATAAGGCATCTACCT

>trans_s_12485L01660|Medicago sativa NADH-glutamate synthase mRNA, complete cds

AAGATTATTACCTGGATCTTGGAATGAAAGGTTTACGAGCTACATGGCCCTGGTACACTCCCGGTTCTCAAC
CAACACTTTTCTAGTTGGGATCGTGCTCAGCCTATATACAAAACCCGGTTGGCAAGAGGGCGGG

>trans_s_12486NM_112646|Arabidopsis thaliana YSL5 (YELLOW STRIPE LIKE 5); oligopeptide
transporter (YSL5) mRNA, complete cds

AGCTGACTAATGCGCTGACTCAGTCCAAAAAGATAGCTCCCGAAACCTCCGCTGAAGGCGATGCCGGAAGAA
GCAACAACACAAGTCTGAATCAGGTGTTCTTGGCGAGTGAAAGGCTGTTTCAGAAAACAGATT

>trans_s_12487AY189114|Trachymene coerulea 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence

GGCTGGGCACGGGGGTCCAGTCCCGAACCCGTCGGCTGTGCGAAGGACAGTAGCGTCCCTTTGGGTAGCTA
GTATCAGACCCGTCCCATCAACACCCTTGGTGTCCCCGCTCAGCTTGCCAAACCCCTGGGTCCCC

>trans_s_12488FJ911553|Cucumis sativus sedoheptulose-1,7-bisphosphatase (SBPase) mRNA,
complete cds

CAACACTGAAGTTTGTGTCGACAATACTTGAACCATCGAGTGGGTCAAATGCAACACTAAAACCTCCTTCAAC
AGGGCCTCCCATGTCTTGAAGTTCTGGCACTTCTCTGAGATGGATGCGCCCATGAGGACACAGACG

>trans_s_12489XM_002324035|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

TGCAGGAAAGAGAGCAGAGGAGCAATTCAAACCATTCAAGAAAGACCAGCTTCGTTAGACTTGTTACCCCAT
GTACGGATTAATATCTCTCCCGAAACACCAAGTATCAACTTTAAATACATGGTTGCAAGTTCCAAGG

>trans_s_12490XM_001698476|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CGAGAATAAGGGCTGGCATAGTTGTCTCTCGCATGCAAGGAGATGCTGCTGCTGGATGTCATGGTTCTGGGG
CGCCATGATCCTTTTCTCTGGAACAAGAGAGGTTAGAATATGCGAGACCAAAGGCTCAAAGAATTTG

>trans_s_12491Novel Gene

ATTTTAATTACAGCGCGTAGCCCGCGTCCCAAAAAAAGCCCGGCTAGGTACTGACCAGGCCAGGCCGTGGAA
CTAAAAATAAAAAGAAAAGGGCTTTTCGGATGAAATAAACTAAAAAGAGCAGCTACGATATTATAAG

>trans_s_12492GU799497|Melothria candolleana voucher J. Schunke-Vigo 5822 (MO) 18S
ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and
internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAGTACTAGTCCTGTAAACAGAAGGACGCTGGGAAGCTTGC GGCGGGGAAAAAAGAACGACGCTCTCGACG
CGACCCAGGTCAGGCGGGACTACCCGCTGAGTTAAGCATATCATATTCGCCTCCTTTTCTTTGAAT

>trans_s_12493NR_022760|Arabidopsis thaliana (AT3G21805) ncRNA

AAGTCGGGGGCATTTCGCGCCAGTGCTGTGACGATGCTGTTTTATGGACTAGAGTTTCTGATCTGGGTACTA
TTCCCGGTATCTGATTGATATACCCTTGGCTGTCTGAGCACTGTGCTGTGACAGTGTGTGGTGGCA

>trans_s_12494GU732446|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D22)
mRNA, complete cds

AGATCTGACGTTCCAGGATACGACGGATTCGACATGGGAACAAGCTACAGAAAGCTGTATGTTGCAGAAATA
CCCATCGGAAATCGATTGGGCTTCGATATTCACAAATTGATGTGCGTAATAGTTCTAAATAGAATCC

>trans_s_12495AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CAATTTATGACCTACCATACGATCCGTTATATAAACAGGCAAATGGTCCTTTCCATTATGAATAGCAATAGTAT
GCCCAATCATTGTGGGTATAATTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATC

>trans_s_12496X82840|C.melo mRNA for aconitase (UNI-ZAPxR)

CGGGCTAATAAGATGTTTGTAGACTACAGTGAGCCTCAAGTTGAAAGAGTGTA CTCTCATATAGAACTGA
ATCTTTCTGATGTGCAACCATGCATATCAGGTCCAAAAAGACCACATGATCGAGTTCCTTGAAAAG

>trans_s_12497DQ629307|Cyathea poeppigii large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AGTCCCTGCTTTTCAGCCGGAATCACTAGGGACGGTGTCTCACTTTCCCGGCACGCTCAACGGATAAAAGTTA
CTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCCTCTCGAGTGTAGAGTCAGCTACCTTGTTACATCCGT

>trans_s_12498CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

CCTCATCAGGAAATCACTAGGAGTCCATCGGACTTCTCATTTGCCAAATGATTTAGCAATGGGAGATGGGATC
ATCCAGATCAGATATTCTTGCATGTTCTTCATGTACAGGGCAGCAGCAAATACTACGCTCATATAA

>trans_s_12499FJ901243|Vitis vinifera CBL-interacting protein kinase 15 (CIPK15) mRNA, complete cds

AGAATCTTTTCTGGATGAGAACGAAGATCTCAAGATCTCCGACTTTGGACTCTCCGCTTTACCGGAACAGCTT
CGGAACGATGGTCTTCTCCACACGCAGTGCGGTACTCCGGCCTACGTCGCACCGGAAGTACTATC

>trans_s_12500XM_001695725|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TCTTTGTTTCTGAATTTTGACCCACACCTGAGTGAAGAGGCCCTTACAATCCGAGGGAGTGCTTTCTCGATTT
CTTGAGGAGTGGAACCATGAAATGTCCAGAATCCCCGGGTGACAACGAGGAGGGAGTGAGAGA

>trans_s_12501AF441853|Cucumis sativus RBL1 mRNA, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

CGTCGATTACTAGCCCCTATGATTGGAATAGTGTATGGCCCTCGGGCTCCGCTGTTATCTGCTACATTCAAAG
GGTTTGAGGTTGAATCATATTATTTTGAATCTTTCTTTCAATGCAAAGGGCGAAGTAAAAAAA

>trans_s_12502NM_001064075|Oryza sativa Japonica Group Os06g0330400 (Os06g0330400) mRNA, complete cds

TGGATGTTGATAATGAACCAACGAATTCAGGAAATCAAGCTCTGATAGGCAAACACCGTCTCTGAAGGATG
GCAGTACACGTGTGTTCTATGGAAGCAGAGCGTCTTCTAACTTTGGTTTCTACATTTAGACGAA

>trans_s_12503NM_001067082|Oryza sativa Japonica Group Os07g0662900 (Os07g0662900) mRNA, complete cds

CGAGACTTCTTTGAAACATCGGATCACAGCCAATGGGGTCGTTTCTCTCAATTTTCAAAGACAAGCTTGAGA
AGCTTATCTCAAAGGACAGCTTGCAATTATGATGTCATCTGCTTCCACTATATATAGACGCGCTATT

>trans_s_12504Novel Gene

GGGGGTAACATTCCTTTTCAGGTAGTCAGCGCCAGAATGTTTGAGATGGCTATCATACTGCTTAGACAATGAA
GTATCTTTACACATTTTCTACTCGATTATGTCCGGGAGCCGAGTACTCTACCATTGAGTTAGCAAC

>trans_s_12505AF182286|Artemisia annua 1-deoxy-D-xylulose-5-phosphate synthase (DXS1) mRNA, partial cds

AGATGTGCGCCATATAATTAAGTTATGAAAAATCTATCCGTCAAGGAGCTTTATCAACTAGCTGATGAAGTAA
GATCCGATGTCATCTTCAACGTTTCTAAACTGGTGGTGTGAACCAAGGTCGGAAGGCGTGCCAA

>trans_s_12506GQ998140|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

CCCGACTGCGGACGCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATGACAGGAACTTCGGCGACCG
AAGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAACATATTGCCAGGATTCCATCGCTTTAAGGGGTGATTGCCCCAA

>trans_s_12507Novel Gene

TTGTACGACGTTAATAACCGGCGGCAGGGTACTGCATCGCCATCCATTGCTGCTGATACTGTTGTTGTTGTTGA
AACCATTGGTGGTGAGGATGAGGAGCCTGGGGAGAATTACTATTGCGACACTGTCCGACGTAGGG

>trans_s_12508AB490003|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitAuR mRNA for auxin-repressed protein, complete cds

TTGGGACCATCTTTGAAACGATACCAAGACTATTGGTGCTGAAGTCTTCGACAAGCCTCAACCCAATTCTCCAA
CTGTTTACGACTGGCTCTACAGCGGTGACACCAAGAGCGAGCACCTGTGGACACGTTGTACAGTT

>trans_s_12509CT029159|Poplar cDNA sequences

TGATGCCAGAGTTATGTGGGATCAGAAGACTGGGCGGTCCAGGGGATTTGGTTTTGTTTCTTTTCGCAACCAG
CAGGATGCTCAAAGTGCGATAAACGACCTGACTGGTAAGGACTTAGTTGCCTCTAGCGACCGGGCC

>trans_s_12510AB372088|Cardamine sp. SIM-2007 mRNA for CCCH type zinc-finger transcription factor, partial cds

GGGAGGGAGCTGAGGGCAAAGATGCTGGAGAAGCTGAGCAAGGAAAATTCGCTGGACTGGGCTGAGTCAA
ATCCTTCAACCTGCACACCAGATGTTGAATGGGTATCAGAGCTAGTGAAGTGAGATAACTTATTGGGTC

>trans_s_12511GQ870250|Aegilops markgrafii low molecular weight glutenin subunit (LMW-m1) gene, complete cds

TCGTGCTAGTAGTAGTTCTGATAGCTCTAGTAGTTCAGGAAGTGATGATTCTTCTCTTCAAGTGGTTCTGACT
CAGATGGGAGCTCCTCCGATAGTGATTCAGATGGTGATGGTCAATCATAGGTGACCATTTTCTAT

>trans_s_12512AJ292767|Nicotiana plumbaginifolia partial mRNA for RNA Binding Protein 45 (rbp45 gene)

AGGAGGAGGTGGAGGAGGATATTATGGATATGGACAAGGATATGAAAATTATAGCTATGCTCCAGCTGCCCCA
AGACCTAACATGTTCTACAGTGGCTATGGTGGGTATGGGAACTACCACGTTGGTCGTCTGTCGTC

>trans_s_12513AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

TTTCGCCCTGGTGAAAATACGAAAAAAAATTGGAATCAAAGCGTCCATTGTCTAATGGATAGGACATAG
GTCTTCTAAACCTTTGGTATAGGTTCAAATCCTATTGGACGCACCAAAGGCGTATTACGTGATGAT

>trans_s_12514AY370512|Petunia x hybrida MADS-box protein FBP26 gene, partial cds

AAAGAATGATGATGAGGTCTTGGCTGAGGAAACACATAAAGAGCGCGTGAAGGATTTTCTGGGTTGCATATC
TTCTGAACCGGAGAACAAATAGACACTTGTGCGGAGTAGTAATACGGCTAGAGTGCTAA

>trans_s_12515AB017425|Acorus gramineus gene for 5S rRNA, partial sequence

ACACAACACAACATAGTAGAATCCAACAGAAAATAAGAATACTGCCACCATGTTGTTGACTTTTAAAAAAGA
AGCTTGGTTCTTAGGGGTGCAACACGAGGACTTCCCAAGTGGTCACCCAACCTTAGTAC

>trans_s_12516NR_022823|Arabidopsis thaliana (AT3G50665) tRNA

TGGTAAGCGCTCTAATCTCTACTTTATTGTCGTCCAGCGGTTAGGATATCTGGCTTTCACCCAGGAGACCCGGG
TTCGTTTCCCGGCAACGGAACCAACCTAACAGGGTGGGGGTGGAAGTGCAGTGATG

>trans_s_12517EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

AGCTTGTCGAACCTCTTCGGGCTGCTGAAGACTACGCATCTGGAATAAGACTTCCTAGGAAGTGGATGCATTT
GCACTTTTTACGTGCCATAGGAACTGCAATGTCAATGCGAGTAGGTATGTGACGACAT

>trans_s_12518AJ506156|Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

GTTCTCCTCTTGACGCAATTGGGGGTATCAGGACCAATGCTACGAGCTCCGGAATACCATGGGATCTTCGT
AAAGTTGATCGTTATGAGTGTTATGACGAATTTGATTGGGAAGTTCAGTGGCATGCTC

>trans_s_12519EU402465|Ipomoea batatas flavonoid 3'-hydroxylase mRNA, complete cds

AAAGTTTAAGGAGGAATTAGAAGACAAGATTCGGATGTACAGAGATTAGTGAAAGAGAAAGAAGATTTAAT
AGTGCGAATCAAGGATCTTGAATCAGCATTTGACTCCTTATGCAATGAAAAGCACGAAC

>trans_s_12520NM_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,
complete cds

TGTGAGGTAAATCAACTCCAGCGAGAGGAATTAGGTCTCATTGAACAAGCTTATGATAACCCACATGAAGCA
TTATCTCGTATTAAGCGTCACTTGCTCACACAACGTGCCTTCACCTCTGTTGGTGCGA

>trans_s_12521D50085|Cucumis sativus mRNA for NADPH-protochlorophyllide oxidoreductase,
complete cds

TTTCCCCTGCTCTTCTGTTCTTAAAGAGGGGAAATCTAGTGTATGCTTGAAAGATTCTAGTTTGTGTTGGGATT
CATTCTCAGACCATCTCATCGAGTCCGAGACCTGCTCGTCCCAGAGTGATCTCTC

>trans_s_12522XM_002894487|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-protein ligase 1 (UPL1),
mRNA

AGGTATCGATGCTGGTGGGCTTTCAAGGGAATGGTATCAGTTACTGTCCAGAGTTATCTTCGACAAGGGAGC
ATTGCTTTTTACGACTGTTGGCAATGATTCAACATTTAGCCGAACCCCAAAGAATCC

>trans_s_12523NM_001060924|Oryza sativa Japonica Group Os05g0102900 (Os05g0102900)
mRNA, complete cds

TGAGATGATGGATCTGATGGATGTGAGCAATGAAATTCAAGAGACTCTTGGTAGGAGCTACAATGTACCTGA
TGACATTGATGAGGACGAACCTTTGGGTGAGCTTGATGCCTTGGAAGCAGACATGGGAT

>trans_s_12524DQ414725|Cucumis sativus cultivar guonong25 raffinose synthase mRNA, complete
cds

AGGACCAAATGGTGGTGGTTCAAGTGCCATGGCCAGTTGATTCTTCATCGGGTGGCATTTCGGTGATCGAGTACCTGTTTTAATTTTTATTTATGTAGAGCTCAATGATTGTTGTTGTCTGGTGGTGGCGT

>trans_s_12525NM_120804|Arabidopsis thaliana ATBAG3 (ARABIDOPSIS THALIANA BCL-2-ASSOCIATED ATHANOGENE 3); protein binding (ATBAG3) mRNA, complete cds

CCAAATCAGCTTGGAGGTTGACAGACTTGCTGGTCAGGTTTCAGCATTGGAATCAGTAATTGGAAAAGGTGGGAAAGTTGCCGAGAAAACAGTGTTGAATTTGATTGAGTTGCTTATGGATCAATTGCTTA

>trans_s_12526NM_001187265|Oryza sativa Japonica Group Os05g0126400 (Os05g0126400) mRNA, complete cds

AGATCAAAGTCTAGGGACCAGTGTAAGATTTTCTTCAGCAAAGCTCGGAAATGCCTTGGACTGGATTTGATGCTACTTCTGGAGATGTAGGTGAAACACCTGGGAATGGTAACGATATCAGTGGGACACC

>trans_s_12527AJ276422|Cicer arietinum mRNA for 25.7 kDa protein

GCCGTGGTGTCAAACAGCATTAAGAGACATCTCAGCTCGGAATTGAACAATCTTTCTATGATATTTAAGAACGTTGCATACACAGAAGGGTTTCATGCTGGGTCTTCCCAATTTCACTTTGTACGTACGAG

>trans_s_12528GU434316|Solanum lycopersicum alpha-mannosidase mRNA, complete cds

CAGTAGCACAGGCAAACATAACTCGAACAAATCATATAATGTGGACAATGGGAACTGATTTCAAATATCAATATGCACACACCTGGTTCAGGCAGTTGGACAAGCTCATTACGTGACACCTTCGTTA

>trans_s_12529NM_001066951|Oryza sativa Japonica Group Os07g0639600 (Os07g0639600) mRNA, complete cds

TGGAAGCCTCAGAAAGTGCCAATTGTACCGGAGGACGGTGAAGTATCACGTACAGACCTCTCTCCAGTGGA GGAAATAACCAAGACATTGGCAAAGAAGGGATACGAAGTAATGACGTCAAGCACGTAGT

>trans_s_12530AB255025|Oryza sativa Japonica Group NYC1 mRNA for short-chain dehydrogenase/reductase NYC1, complete cds

GGCGCTCCTCTAATACCATGTTTCGCACCAATCATGGTTCCAATAATAACCCCTCCGAGCCAACCTATACCAAATCAATGTGTTTCATCTGGCTGTCACCACCTGATAACTGAAACCCGACAGCAAGTACGACA

>trans_s_12531XM_001699234|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TCTCCGACGACATGCCGGTTCGCTCTCCTCGTGTGTCGGTACCCACTGCTCAGATGCTGAGTCATCACAGCAGGTTTCCATTGCTGTTACCCATACCGGCCGCGCATCATAGATCATCACCGGTTGCCTCC

>trans_s_12532AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

AGTTCGGGCTGAATTAGTTAATCATAGACATATTTTAGTTAATGGTTCTATAGTGGATATACCAAGTTATCGGTGCAAACCCCGAGATATTATTACAGCAAAAGATGATTTTTTTTTGTTTTGCACAGTTC

>trans_s_12533Novel Gene

AGCTATAGGTTTGCACCTTTTACCCAATCTGGGAAGCGGCATCCGTTGATGAATGGTTATACAACGGTGGTCCT
TATGAACTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCATGTTACATGGGTCGAGTCA

>trans_s_12534Novel Gene

CTAACTACCAATCGCTCGGCATGACTTGACTTATAGTTCACATTGAGCTCCCTCTTTTTCTCTTGATTTCATTGA
TTGGGAGAGTGGTTCGCAACTATCAAGATCTCTTCTTTGAGTGGACTAAAGCGT

>trans_s_12535GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGAAGCAGAAGAACCAGGAGCAATTC
AAGTAATAGTGATGGCGTTAGTCGTAGTGATTGTTGCCTGATTGAATTATCCCAACTC

>trans_s_12536L36159|Medicago sativa unidentified mRNA, complete cds

GATGCGAGCAACTCGTGCGAAGGATCTATGGTTGTTGAAGCTTTCGCCGGGAAAAACACACTGAAAGTGCCG
TATCAGTCGAAAGGAAACGGCGGGTCGAAACCGGCAGCGCTAAATCCCGGAGCGAGCGT

>trans_s_12537NR_023288|Arabidopsis thaliana (AT5G63195) otherRNA

AAATCTGTTGTATCGATTATAGAGGAATACTTTAGTACTGGCGACGTGGAAGTGGCAGCATCTGATCTTGGAG
ATCTAGGCTCAAGTGAATCATCCTTACTTCATTAACGGCTAGTATCTATGGCAAT

>trans_s_12538XM_002315532|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit
(CHR914), mRNA

GACAAGTTGCTTCTAAACTGAAAGAGCGTGATTCTAGAGTCCTAATATTTTCGCAGATGACAAGGCTGTTAG
ACATTCTGAAGATTATTTAATGTTTCGTGGATACTATATAACAGCTTAACTACCATT

>trans_s_12539NM_001187917|Oryza sativa Japonica Group Os06g0558700 (Os06g0558700)
mRNA, complete cds

TGCGGACGCAAGTACAAGTTCAAGAAAGACCCTATGAAGCTTCACTGAAGGCCAGTTCCTGATGCTCACGTCC
CAGTGATGAAATCAAGTTTGATGGAATATCTATTGATCTACTTTATGCTAGTATATC

>trans_s_12540AF034618|Spinacia oleracea cytosolic heat shock 70 protein (HSC70-1) gene,
complete cds

TGCAATGGTGACTGTTCCACTAACGACTGGAACACTCTGTTACCCAATAACAATACAATCAGTTTCCCTGACA
TTTACGAGAGCACTATTCATAAATAGACAATAGAGCCCTGCTTTTTTCATCAGGTTG

>trans_s_12541AB124642|Secale cereale Revolver-4 pseudogene for transposase

TGAGGTTTGGAGAGAGATGGGACCGGCAAGACCCAGCCAGATGCAAGCTTTTCTTTCAATAGCCGGCCAAA
TGACTAAGAGGATCATCATCGGTCTACTCTACCTCAATTCACCATTTGAACTTTACGT

>trans_s_12542D26578|Daucus carota mRNA for DNA-binding protein (transcriptional regulator),
partial cds, CHB6

CGTCCGAAAGAGGCATGGCAGCTCAGATTCCTTGGGTGCTTTGATGTCCGTCTGTCCTACTTCAGAGGAACAG
AGTCCAAGAAACAGCCACGCCGCAATGAAAGACCCTGACTTGACCAAGCAATCCGA

>trans_s_12543Novel Gene

CTACGGTACCCATAGGTCAAAGGGAAGGAGGAGGCAAGACCCCCATCTCCGCATATCTTGCTCATCCGACA
TGGCATGAATCACCGAACCTGCACTCAGGAATAGTAATGCTTTGAAAAAGGCGTGATT

>trans_s_12544NM_001124071|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT1G63770)
mRNA, complete cds

ACAATTGTCAATTCAAGAATAACGGTGTTCCCTAGAGTTGAAGGGTCCAAAGCTCCTCTGGTTTTGAATGGTG
AGGATGCGAAGTTGATTTCATAATTCTAATTATCACTCCTGGACTTCCTCCCACTTTA

>trans_s_12545XM_002867602|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata fus3-complementing gene 1 (AFC2),
mRNA

AATGATGGAGCGAGTGCTTGGTCCATTGCCACAGGATATGTTGAAGAAAGTAGACCGGCATGCAGAAAAATA
CGTACGAAGAGGTAGATTAGATTGGCCAGAAGGTGCAACATCAAGGGATAGCATCAAGC

>trans_s_12546M16057|Cucumber LHCP mRNA encoding chlorophyll a/b-binding protein, partial
cds

GAGGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGACTAAAGAGAGTTTCTATGGTGTGAATTATTATTTGTGGTGGTATTGT
ACATTAGTTGAAAATGAATGAAGTGCTTTTGTGCTGCTAACCCCCCTGTGGGCGTTAT

>trans_s_12547NM_001069008|Oryza sativa Japonica Group Os08g0556200 (Os08g0556200)
mRNA, complete cds

TTAAGCAAATGCTAACCTTGTTTTCTAAGTAGCAAAAAGTTTATGGAAACCCAGCCCCGAGAAGGAGTATTTG
ATTCCATTCTTTGCAGACGTAGTCTCTTTTCTTATGTAAGGGCCCCAAGGGCCGCC

>trans_s_12548NM_001061150|Oryza sativa Japonica Group Os05g0143300 (Os05g0143300)
mRNA, complete cds

CGTTCATGTCATTGACTGTATTGCCTTTCTCCCGTGCCGCTGCTTGTTAAACATATAGGATAACATACTCTCGCA
TGCGTGGAATAGTTTTTCTGTACAGATCTCTCTACGGCCTACTTTCTTACTGT

>trans_s_12549DQ629296|Todea barbara large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast

AGACCTGTGTTTTTGCTAAACAGTCGCTTGGGCCTATTCACTGCGGTCCCCTTTGTGAGGAGGCACCCCTTCTC
CCGAAGTTACGGGGCTATTTTGCCGAGTTCCTTAGACATGGTTCTCTCAAGCGCCCT

>trans_s_12550XM_002872924|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata chloroplast transketolase, mRNA

AATCATCAAAGACCTTGATTCTTCTGACTCAACCACAATTTATGAAGGTAGCTTGCTTACTCTCAGCCGCTAGT
TAGAGGGAAATCCGTTGACTGAGTTTATGCCCTTATGCAGTAACTCCCATGGACAG

>trans_s_12551D29629|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for aconitase, complete cds

AAATCCCTTAAACCCTACTTTGTTATCAAGGCAAGCATGCCAATCAGACTTCATCTCCTTCAAAGGCACACGAT
CATGAGGTCTTTTTGGTCCTGAAATGCATGGCTCGACATCTGCAAGATCTAATTGTA

>trans_s_12552AB446022|Isodon inflexus gene for ITS2, partial sequence, specimen_voucher: personal:Makoto Toyota:l4A-ITS2

CAACACAAAGTTTTTTACCCCATATTAGGAAAGAAACCAAAACACCGTTTCCACAACCTGCCTTAACACAACCTT
CAGAATATATGATGTTTACCCAAATTGGATTTCTCATCCCCACTATCTCCGCCATT

>trans_s_12553DQ104398|Arabidopsis thaliana C2H2 SET mRNA, complete cds

AACTTTTCATAAGCATCGGTATGAGCCGATGAGGATTTGTTCTATTTTAGTTGGAATTACCGGCTGAATTTTCCT
TTTGATGTCAAACAGACTGGCTATCTGAGGCTTCGGGGTCCCTTGTGTTTTCGGTG

>trans_s_12554AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

CCTCCTTGATTTATATAGCATTGAGAATAATAAACTAAATTGATTCGTCTCCGGTAAGGACCACTCAACAACG
GATCATATATTTTTGGTAAATAGTCTTTTTTAGGGGGCTCATTACATAATTGAGTCC

>trans_s_12555NM_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,
complete cds

TGTGAGGTTAAATCAACTCCAGCGAGAGGAATTAGGTCTCATTGAACAAGCTTATGATAACCCACATGAAGCA
TTATCTCGTATTAAGCGTCACTTGCTCACACAACGTGCCTTACCTCTGTTGGTGCGA

>trans_s_12556AY527172|Cucumeropsis mannii voucher PI532721 NADH dehydrogenase subunit F
(ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

AATAAAGGATGAATTCCACTTTAAAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAACTTCTTACC
CTCCGGATGGAAATAAAGAAAATTCGAACTTCTGCACCCCTACCTCCTTTATCACTG

>trans_s_12557XM_002869519|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cop1-interacting protein 7 (CIP7),
mRNA

CGTGTTCCTGCTGCATCTGTGGATATAGAATTCTCGATCTGTACAATCTCCTTCTCTGTAGTAACAAATCTCTC
AAGAACCTCTGGCGTGCTAACAAATCTCACGAATCTCTTCTGGGAGTATGGCATG

>trans_s_12558FM211907|Lotus japonicus partial mRNA for convicilin storage protein 1 (lcp1 gene),
ecotype Gifu

CATTTATCAAGGGCAGAGAAAAACAACTTTTTTTGATTGGATGAGAATGAGAAATACTAAGTGGTTCCAGAT
CGATAAACTTTGCACCCACCCAGAAAGGTCTTAAAACTATGAAATATTACACGCGCC

>trans_s_12559AY081536|Arabidopsis thaliana endomembrane protein EMP70 precursor isolog
(At1g10950) mRNA, complete cds

GATGCAATTGAGAATGGCTACTGGTTTGAGTTCTTCATGGATGATTTGCCTCTGTGGGGCTTTGTTGGTGAGTT
GCATCCTGACAAGAATAGCAATAACGTTAAGCATGTTCAATGACACATAAGAACAT

>trans_s_12560DQ231577|Nicotiana sylvestris cryptochrome 2 (cry2) mRNA, complete cds

GTCCCTAGTTTGCCGCCAAGCCTTAAAGTTATCCTGGCTAGCATGCCAAGGAAAGAACTTCAGACTGCTTAG
CAATGATCTCTCATGGGTGAATGGAAAGTTGAAACATATATAACGAGAATACTCTCTG

>trans_s_12561AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

GAAGTGAAATAACATAGACTGGTTATGAACTACAATCCCGGTTCACTGCTTATGTATGGCAGAGCGGACGGG
ATGCCCAGTTTTCACTGACCTGTGGTTTAGGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTTC

>trans_s_12562XM_002875992|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

TCTGCAACTTGACAACACTATAAACTCATTGGTGCTGGAGCATTTGCATTTTCATCCAACTCTGGAGTGGATTT
TTGTTGGTGACCGAAGGGGTACACTTTTGGCATGGGATGTTTCAATTGAGAAGCCTA

>trans_s_12563AB601118|Vitis hybrid cultivar Tam-BT mRNA for BTB and TAZ domain protein, complete cds

TCAACTTCCCGGCCACCGTCACCTCTGACGACTCCGCCGCCACACCATTACTCCCTCTATATTCAGGGAGCTTC
CAGAACCCGATGTTTCATATCCTCGCCTCTGGCGGACTTCGAATCCCGGCGCATTCC

>trans_s_12564GQ998851|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum accession no. 581-4C RNA polymerase beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

AGAAATGGAGGTTTGGGCTCTAGAAGGATTTGGTGTTGCTCATATTTACAAGAGATGCTTACTTATAAATCT
GATCATATTAGAGCTCGGCAGAGGAGCAGGAACGTCGTAGAGTAAAAGAAGGTGGATG

>trans_s_12565Novel Gene

TGAAAGTATTCGTAGCCATACTCCGACTATTGTACGTTTGTGGGTATCATTCTTCTACCAGGAGCAATTCA
AGTAATAGTGATGGCGTTAGTCGTAGTGATTGTTGCCTGATTGAATTATCCCAACTC

>trans_s_12566NM_001056279|Oryza sativa Japonica Group Os03g0281600 (Os03g0281600) mRNA, partial cds

TACAAGAAGCAGCCCAGAGTGAAGATGATACACCATTGAAGAAGAAGTTGAATGAGTTTGGAGAGCTTTTAA
CAGCAATAATTGGAGTGATCTGTGCTCTAGTCTGGCTTATATTACAGTTTATGAAGGAG

>trans_s_12567FJ969430|Glycine max HSP90-1 mRNA, complete cds

GAAGAAGGGTTACGAAGTTTTGTTTCATGGTTGACGCGATTGATGAGTATGCAGTCGGTCAGTTGAAGGAGTT
TGAAGGTAAGAAGCTTGAAAGTCGTTGGTTCCTTCCAGACTTGTCAGTAGAGACAGAG

>trans_s_12568NM_001052118|Oryza sativa Japonica Group Os02g0100700 (Os02g0100700) mRNA, complete cds

CCTTCTTTATGTCGCCTGAAGTGCGCCAACTCTAGAACGGTGTCTTCTTCTTATCCCAGTGATGTGGCATAACT
CCAAGTATTGACTCCCTAAATTCCTGCACTCAAACCCCCAGGATGTCGGGCATT

>trans_s_12569GQ338258|Nepenthes mirabilis acidic endochitinase gene, complete cds

ACGCCCCGAGCCGCGGGAGAGAGCCCCGCCCTAACCTATCATTCCCTCTACTGGTAAACGTAGCTTAAACGAT
GTCAATGAACTAAGTAAATCTGTGTCGATCACTACTGTTTACTTTTTCTTGCTATCTT

>trans_s_12570EU215467|Zombia antillarum voucher B. Wood s.n. (FTG) phosphoribulokinase-like protein 2 (PRK) gene, exons 4, 5 and partial cds

CTCCACCCCTATATCCTAAAGATCAACTATTAGAATATTTACAAATCTCTTCTTCACTATCCAGGGGTTAGATAA
GCCATGCAATTGAGAAAATTCATAAACCCCTGCAAAACAAATAGTTGTTCAACTTT

>trans_s_12571DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

GGAGGGAGAAGTCATTGGATCCTTTTCCTCGTTGAGAATCTCCTCCCTTCTTCCATTCCGTCCCGAAGAGTGA
CCGGGATTGGCTCAGTCACGTTTTTCATTCATTTGGAATCTGGGCTCTTGATGCACA

>trans_s_12572GQ245572|Streptopus amplexifolius tRNA-Leu (trnL) gene, partial sequence;
chloroplast

CGCTTTAGCCCATCTGCGATGCCTGAAGATTAGATTGAGCCTTGGTATGGAAACCTACTAAGTGATAACTTTCA
AATTCAGAGAAACCCTGGAATTAATAATGGGCAAAGGACTCGGTTTAGGGGGGTTT

>trans_s_12573NM_123012|Arabidopsis thaliana serine-type peptidase (AT5G36210) mRNA,
complete cds

CGAGTGGATCCCAAAGGGAAACGGATTGCATGGATCCAATGGCATCACCTAACATGTCATGGGATAAATCA
GAGCTTTGGGTTGGTTACTTTTCTGATAATGGCAAAATTAACAAGCGTGTCTGTGGT

>trans_s_12574NM_105779|Arabidopsis thaliana RSW10 (RADIAL SWELLING 10); ribose-5-
phosphate isomerase (RSW10) mRNA, complete cds

CACGTCGGCGCGTCGGTGAAGTTCCAACAAAAGGGCACAATCTCCACCGGCATGGCTAACCCACTGCCTCCCA
AATACTTAACCAATTTGACTCATCAACAATCACAACGAAGTCTTGCAAGCACCTT

>trans_s_12575Novel Gene

GAAGGGGTGCCTCCTCACTGCTTTGATGATATTGTATAATCCCAGCTCTATGAGACCTTTCTAGGTGCGGGA
ATAGTCTTTACCCATAAAATATCTGAGCTACGTGCAACAAACCCGACTTCTGTCCT

>trans_s_12576XM_003078266|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot03g04030) mRNA,
complete cds

AGGATTCAATTCACAATGTTGTCGGTTTGCTCGGTGACCCCTAGCTGTTCTTCTCAATCTAAGATTACTTTCCAT
GGTGGCCTGAGACCCTTTCTGCCATTCCAAAAGGATTTTCAATTTGGCAGCTCCA

>trans_s_12577GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete
sequence

AAGCGTGGTAGAGAGATAACACATCGCTATCGTTTTGCTTTTCGATTGGTTTCATCCACGCAGCCTCGTTTATC
TAAGTCGTTGCACACTCACCTGCCCTAGGCTTTAAGACGAGCACCAGCCACAC

>trans_s_12578AY107267|Zea mays PCO073795 mRNA sequence

TCAGCCTGTCCCTCAGATGTGGCCTCAGCAGCCACAGGCCGGTCCCCACAGGGCCAACCCCTCAACCTGCC
AACGGGGATGAGGTTTCGTACGCTCTGGATCGGAGATTTGCAGTACTGGATGGACGAG

>trans_s_12579U66277|Cucurbita maxima phloem filament protein (PP1) gene, complete cds

ATGAGAGCTTCAATGTTCTGTTGACAATGTTGAGAATCATGTAGAAAGGACTTATAGTTCCATGCAGGTGGG
AAATGCAGACAAAAGTGACATTGTCTCTGAGAATTCAATGGTTGACTCAGCCCTCAA

>trans_s_12580NM_101834|Arabidopsis thaliana ATCNGC8 (CYCLIC NUCLEOTIDE GATED CHANNEL
8); calmodulin binding / cyclic nucleotide binding / ion channel (ATCNGC8) mRNA, complete cds

AAAAACTGGCAATTACAGTGACAACATTGCGGACAATCATTGATGTTTTCTATCTTATTCATATGGCTCTCCAAT
TCCGGACAGCCTATATTGCTCCATCATCTCGGGTGTGTTGGGAGAGGTGAACTTGT

>trans_s_12581EF523435|Eriobotrya japonica NADP-malic enzyme mRNA, partial cds

AAACCCCGACTTCTGGATACTCTCCAACATTTCAAGAAACCTTGGGCTCATGAACACAAACCTATCAAGAACT
CATTGATGCCGTTAAGGAAATCAAGCCAACCGTTGGCATTGGAACATCACGCACCC

>trans_s_12582DQ267933|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D-alpha (PLDa1) mRNA,
complete cds

TTGGTGCATCAATAACAAAAGGTGGACCGAGGGAACCTTGGCACGATATCCATTCCCGACTTGAAGGGCCCA
TTGCCTGGGATGTCTTGTTACGGGGTCTACCCTTGGTCCTCCTGTCCACCCTTCT

>trans_s_12583AY083613|Pisum sativum translation elongation factor (tufA) gene, complete cds;
nuclear gene for chloroplast product

GTGGTAGACATTCACCCTTTTTCGCTGGTTACAGACCACAATTCTATATGAGGACGACTGATGTCACTGGCAAG
GTGTCTTCGATTATGAACGACAAGGACGAGGAGTCGAGGGCAACCGCATTGAAGAG

>trans_s_12584EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

AAATTCGGAACCTGACGGATCTTTCCTTTTTCTCATATACGCAGTATCGGATTTCCTAAGTCTATTCTAGTAGAA
ATTTGGAACAGACCATTTGTACTTACTTCAACAAAGGAAGCGCGCGCTTGG

>trans_s_12585NM_103837|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein / extensin
family protein (AT1G49490) mRNA, complete cds

TCTGTGGATGCAGTTCAACCATCGTCTTCATCGACGGATTCTGTACCAGGGAACGAGGCGAACTTGCCACGT
CTTTCTCTGGACCTAAGTATGATGACGATGAAGACCCCGGGCTACTCTTATTATCTC

>trans_s_12586AF030382|Cucumis melo ADP-glucose pyrophosphorylase small subunit (msf1)
mRNA, complete cds

AAAGCGGTTTCTGATTCCAAGAACTCTCAGACTTGCCTCGATCCCGATGCTAGCCGGAGTGTGCTTGGGATTA
TTCTGGGCGGTGGTGCTGGAACCTCGGCTCTATCCGCTTACGCCTCCCATCTATCCTA

>trans_s_12587FN675913|Sambucus ebulus chloroplast partial sqd1 gene for sulfolipid biosynthesis
protein, specimen voucher MIB:zpl:01678

AAGGCTTGGGGGATCAGAGCCACGGATTTAAATCAAGGGGTTGTTTATGGATTGCGGACAGATGAGACTGCT
TTGCATGAAGAGCTGTATAATAGTTTGATTACGATGGAGTGTTTGGTTCAGGCTGAA

>trans_s_12588EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA, complete cds

CGCACTACACTATACCGCGCATCAGATCGATGTCAATGTGAGCATTACGCATGTCCAGAGACTGTGAGGATGG
CCACATACTAACCGAGGACGTCGGAGTCAGATTCTGATTCTGCTGCACACTCGCAAT

>trans_s_12589FJ434146|Ruta graveolens internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

ACCATACTCCCAGGGGGGAGAGAGGTAGTTCCTGTGTCCCTCCACACTGTATTTAGAACCCGGTTCTGGCATC
GATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATACTTGACACAAATTGCAGGATTTTGCGAACCA

>trans_s_12590XM_002328574|Populus trichocarpa type-b response regulator, mRNA

AAAACCTGTTTGAATTGAAGCACTGAAGAACATATGGCAGCATGTTGTTGCAAGCGGAAGAATGAATGGAA
GGACTTGAGCAAACCTTGTTGACGATGTAGATCGGCAGCAAACCACCATACTTCG

>trans_s_12591GU984020|Cucumis sativus WRKY protein (WRKY21) mRNA, complete cds

GATGTCGAGAGGAAGGTTTTTTTTGAAGAAGAGACTGGAGCTTTAATGGAGGAGTTGAAGAGGGTTAGTGC
AGAGAACAAAGAAATTAAGTAAATGTTGACTGTTGTTTGCGAAAATTACAACACTTTGA

>trans_s_12592XM_002874559|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata KH domain-containing protein,
mRNA

AGACAAGGAGCTGAGGAAGCTAGTAAGTTTCTTCCTGTTAATGGAAGATTGGAACCATTGACTTGGATAATG
ATTCTTCTAGTTCTAAAGAGGGGAAGGAGCTTAAGTGGTCGGGGGAGGTTTGGTAGT

>trans_s_12593Novel Gene

ATCAATCAAACAACTACACCTTAGTTTTCTTCATCATCCTCTCCCGATCGCTTCAACTGTTTGAGGGTACTTGC
ACTTTACTTGCCGATCAAGTTCTTGTTTTCTGGTTTCATCCGTATGATTGGATA

>trans_s_12594XM_002300050|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE903),
mRNA

TAGAGAAGCAGCACGACAAGCATTGCTCCAGATTGAGAAAACCGTTATAATAGATGAGAACTCCCAATTTCTT
GAAGACTTGAGATGCTAAGAACGGCTCCTGCGGAGCAGTTGCCAAGCTCTGGGGAT

>trans_s_12595AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

CTTATTTTTTTGATTCGGGACCACGAGAGTTGTTTGTGCGATCTCTATCCTTATACCTGTCATAGGTATTGGTA
TTTATCCAGATTTTGTCTTCTCACTATCAGTTGTGTTCCAGCTTCGATAAAATAG

>trans_s_12596AY935509|Populus tremula x Populus tremuloides secondary cell wall-related
glycosyltransferase family 14 mRNA, complete cds

CATATGTGTGTGTTACATCTTCATATGATTCATCCCTGTTCTCGCACTTGATGCAAGGAACTAACTGATTCTCT
GCGGTGACTTGTTCAAGGCATTTGCCGCATTTCCAACCAGCAGTAATCGTACTGG

>trans_s_12597D85610|Spinacia oleracea mRNA for ATP-dependent protease Lon, complete cds

GATCGTAGCTCGAGGGTTCAATCTGGAACCTCCGACTCACAAGAGTAGATGGGAAAAATCATCAGGAAGTC
ATTCAATGGCATTCAAGGGGTGTTGCTGCTCGTGCCTTGACAGCTGTCTAGAGGAGTGG

>trans_s_12598NM_001073841|Oryza sativa Japonica Group Os12g0623500 (Os12g0623500)
mRNA, complete cds

CGATACTTCTGCAGCTATTCTAATTCTGATCCACTCAACCCTTTCATTTCTCTTTATGTGATCGGGACTAC
ATCGGAGGCTTTGAAGAATGGATCGGGCGACTCGTGCTGTGAAACCTTACAAAA

>trans_s_12599L25335|Medicago sativa aspartate aminotransferase (AAT2) gene, complete cds

TTTAGAAGATGTTTAGACAAGCAGAAGTTTAGGGTCTCGTTCGAAGTGAGAGGTGAGGCCAAAAGAAATAGAA
CTTGTCATCTACATATATCCACCTTGTTGCTGCGATGGCTGCTGTGTTGCTGGTTGCT

>trans_s_12600XM_002881467|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PHD finger family protein, mRNA

TCTAGACCTAGCTGCTGTGGAGGTTCTTTGAGTTTTTCAAAGCCAATTGTTTTAGGTTGACACGAGTTGTAA
AGCACCAGAGTATGAAATTGGTGGTTGTGTTGTTTGCAGGCGGCATGATTTCAGTG

>trans_s_12601EU002548|Tapiscia sinensis RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds;
chloroplast

GGGATGGCTAGTCCAAGATGCTGAACAACAAAGTTTGATTTTGGAAAAACACCATCATTATGGAAACGTACAC
GCAGTAGAAAAATTACGCCAGTCCATTGAGATATGGTATGCTACAAGTGAATATTTG

>trans_s_12602X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

CAAACCATTTTTTGGGGCTTCCGCCTTACACACGGAAGATTGGATTGCCTGAATCACGAGTCCACTATACTGTG
TTACGATCACCTCATATTGATAAAAAGTCCAGAGACAATTTCTTTACCTTTCCCC

>trans_s_12603AY022954|Oryza sativa microsatellite MRG5279 containing (CTG)X8, closest to
marker C624, genomic sequence

AAGCCGGTCTTCGCCTACCCCCAATTAGATCGAGTAGATGCATCATAAATAAAAAAAGGATCCTACGGGGGAC
TGGACTAGTTTCGGAGGTGCTAGACTATCTTGTATAAGGCGGAAGTCGAACAGATCT

>trans_s_12604X06810|Soybean gene for U1B small nuclear RNA

AGCTAGCGATCGCGCGCGTATGCCGGGCCACTTCCACAAATTATGACGTAGGCTCTGCCACTTAGGACAGACC
TTAGGGTAGCACCTTCCTAAGTGCAATGGAAGTCACTACCCTAGGACATGGGCATT

>trans_s_12605XM_001697558|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TAAATTGAACGGTTGCAGGTGGAGGGTGGATGACGGCTAAGGGGAGGCGAGAACAAGAACAAGGCAAGG
AGAGGGGATGGACCGAGCGCACGAGCCGAGACACACGACAGTGGGTGCCCTTGGGGGGC

>trans_s_12606AJ580822|Lotus corniculatus var. japonicus gene for coatomer alpha subunit-like
protein

TCAAACCTCTCTCTTGAAGAAGAGATTTGACCATGTCATGAGCATGATAAGGAACTCACAGCTCTGTGGGCA
AGCAATGATTGCATATTTGCAACAAAAGGGATTTCCAGAAGTTGCACTGACAGTCGT

>trans_s_12607XM_002505779|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13 flagellar associated
protein FAP74 (FAP74) mRNA, complete cds

AAAGCCTGCTAGAGGGGCCAATAGAGAAGCTCCACATTGGAGGCGATCACAAGGGAGAGCACCACGACGCT
CACAAGGGTGAGCATCACGACGAACACAAGAAGCACGAGACTCCCTCTTCTACAACGTT

>trans_s_12608HQ018762|Pisum sativum cultivar Frilene_mutant RAPD marker AH1R_850 genomic
sequence

AGCGGAACCTCTTGTGAAGCATGTTATTGATGATTCTAAGGATTGTTGCTCAAGTGGCTCAGATGAATCTGGA
AGTCAAGTATTGAACGCATCGAAAGGAGC

>trans_s_12609NM_001057383|Oryza sativa Japonica Group Os03g0666700 (Os03g0666700)
mRNA, complete cds

TTGGGCCCAATTACCTGACCCTAATCCTTCCCTCTCTCTTTCTTCCATTCTAACAGAAATTTCTTTTCTCTTTT
CATTGCCTTTCTCTCTATTTCTCCTCCTTCTCTTCTTCTCATTTCATTATCATTCCCATTTCCGCCTTTCTTTCAC
CTATTTTCTGTTCTCCTTCAATCCTTCTCCGCTCTTCTTATTGCTTGCTGATTCTTCTCCCCCGCGTCGTCACGTT
TTCCGCCGATTTTCCGACAGGTGTGAATAGGCAGAGAAGAAGTTAGAGAATTTGAAGGAATTGTGCATCTTGT
TTCTTTTGAAGCTGTGGCATGCTGTAACCTAGATTGAAACAAGCGATCATGTCACTAAAGAGCCAGGCTGAG
CAACTACTTAAGTATCTTGTTCTATCAGATCCTGTTGTACCATATATTTCCATTCCCGCAGGCGTACTTGCGAGC
AAATTGGTCTATGATCTTACTGATTTGATTAGCGGTGTTACTTCAAGAGCTATTCTAATCTTTCTAGGATTGAG
CGGGTGGAGTGGAACAACCGGGCAATGTCAACTGTCCATGCCATTTTCATCACAGCAGCAGCATTATACATGG
TGTTTCTATCAGATCTCTACTCTGACCGATATTTGGCCCTATTACCTTTCGTAGTTCAACAATATCTACATTTGG
CCTGGGTGTGTCTGTCTCGTTACTTCATAACCGATCTTGATGATCCTTTGGTTTTACCTGCAATTGGTGGA
TGGAGTATGTGATACACCATCTCCTTTCTCTTAGCTGTGGCCTATGCCATGTTGACTGGTGAGGGGCAGCTT
TATACCTACATGGTTCTCATCTCTGAGACAACCTACCCCTGGGATCAATTTGAGATGGTACCTTGATACAGCTGG
AATGAAGAAGTCAAAAGCATACCTCATAAATGGAATTGTTATATTCTTCGCTTGGCTGGTTGCAAGAAATCTTT

>trans_s_12610EF571287|Phaseolus vulgaris cultivar Raven eukaryotic translation initiation factor
iso4E (eIFiso4E) mRNA, complete cds

ATTCGATTCGATAATTTTCCCTTTTTTCCCCCAATTTCAATTTCTAGGGGGTATTTTTCAGCGCCCAAGATATCG
GCCGGTGAGGCGGCGGTGGAGGGTCGCTCGTGGCGGTGGCGGCGGCGGCGTCAGAAAGTGGCCGATTCCAA
TCCGCAGTCCCATAAATTGGAGAGAAAATGGACCTTTTGGTTTGATAACCAAGTCCAGGCCGAAGCAAGGTGCT
GCCTGGGGCACCTCTCTTCGCAAGGTCTATACCTTCGAAACCGTCGAAGAATTTTGGTGTTGTACGATCAGTT
ATTCAAGCCAAGCAAGTTACCGGCGAATGCAGATTTTCACCTGTTCAAACTGGAGTTGAACCGAAATGGGAA
GATCCCGAGTGCGCTAATGGAGGAAAATGGACTGTCACCAGCAGTAGAAAGGCTAACCTTGATAACATGTGG
CTGGAAACGTTGATGGCTTTGATTGGGGAACAATTTGAGGAGTCTGATGAGATCTGTGGCGTAGTTGCCAGT
GTGCGCCAGAGGCAGGACAACTTGCTCTGTGGACCAAGACAGCAACAAACGAGGCTGCTCAGATGAGCATT
GGTAGGAAATGGAAGGAGATTATCGACGTAAATGACAAGATTTCTTCAGCTTTTCATGAGGATTTGAGAAGG
GAAAAGTCAGCAAAAGCTCGATACAGTGTGTTGATCATTAAGTGCATCATGTCGAGCTGCTAAATTTTGAGGAA
GATACTAAACAATATATTTTCGACATACTTGTCATTGTTACATTTCTTTCTTTGGGTTTGTGTTTTATTTCAA
GACGAATCAATTAAGATCTCCATGTTTTGAAGAATGCGCAGAATTTCTTCAATGTAGTAGCCTTGTCATTT

ATTATTTAGATCCGTTCTATTGAGAAATATACTGATATTATGTATAATTAATTGTATTGTATGTTTACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12611NM_001051134|Oryza sativa Japonica Group Os01g0813400 (Os01g0813400)
mRNA, complete cds

ACACGATCCCAAACGCATCTATCCAGAACGCCGCGGATGCCTCTCGTGCTCACCCATCCCAAACGTCACCGAAC
GTCGAACGCCAAACGCTAACTTCGTTCTGAACGTCGAACGCCTAACGCGAACGCGAACGCCGCTCCCCGTCTC
TTTTGCTGTCTTTGTTGTTTGTAGGCTGCTTGATTGATTACTTTTGTGGTTTCTTTTTTACGTATCAGGTTCT
TAGACAAATTGAAAATACCCGGCTAAGGGAAAGGAGAAATGGGATTGACCTTACCAACCTTTCAATAGGCT
TTTTGCAAAGAAGGAGATGCAGATTTTGATGGTTGGTCTTGATGCTGCTGAAAAGACCACGATCTTGTAAG
CTCAAACCTCGGAGAAATTGTCACAACTATTCCTACAATGGGTGGCATTGGCGGGTACCTCCTTTTCGTTCTTC
AGAGAGTTGGTGCTGTGGTGCGTAATGGGGGCAAGCTATTTGCTGTAGGGAGTGGTGCATCTGTGGTTAAAA
TTGCCAAGTGGAACCTGAAAAGGATTTGCTAGCCATGGTCACGAAAGACTAAAAAATTTTGTTCAGCGTTT
CAACTGGCAAAGGTTATGGACTATATCACTTATGTCCTTTACAAGTCGAAACCACTAAATTGGGAGTTATGATG
TGGAAGTATCTTCTTTGAGGCATGAAACAAAACAATTAATGAGAGGTTGGAAACCGCAAATGCAAGAGCTC
AATCGTTTGAGAAGAAACAAGGATATTGCAAGAAGAAAAGGTTTCATATTGTAGCTTAGACATGTATTTTGT
TTATATTAACAAGAAAAGGTTTATATTGTAGCTTAGACATGTATATGGTTCATTGATATATATATATATGCAAT
TTCTTTGATGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12612NM_100795|Arabidopsis thaliana transcription factor (AT1G09250) mRNA,
complete cds

AGAGAGAGAGAGAGGAAGAGAAAGGGAAGTAAACGTGTTTGAAGGACTCAGAACGCGTGATATTTTCCCG
TGATTCTTTTAAACCCTTTCTTCTCTCAAACTCAAACCTCTTCATTCAATTCTTCAATCTCTTCAATTGATTCT
CTCGCTGATTTCTTCTAATTCAACGCTTTCAGCTTATACTATTCCATGGACGCCGATCAATCTAACAATTCCACA
ACGTTATTGCCGACCCGGCCAATAAGCGACCACCTAAAATTATAACCGACGAACCTACTCAACACACATGGA
AAACTGAAATCCAGCAACAGATCTACTCATCTAGGCTCGCGGAAGCGCTTCGCCGAGTCACTCATCCACGCTC
CTCATCTACGATTAACGGAAACCTAGTTCGCCAACTGCGGATTCTGTACTCGCCGCTACAGCCAAGGGGAGG
TCTCGATGGAGTCGAGCGATTCTAGCCACTCGATTCCGCCAGAGCCTTGCCAGACGACGACGGAGGACGAAG
AAATTACTCGCTCGTAAACCGGAGCTCAAGAACGAGAAGGCTAGGAAGTTACCTGCGGTGCAAAGGAAGGT
GAAAATTCTTGCCGCTTGTTCTGTTGTCGGAACCTCTCGTTCCCGAATCTTCTGGAAGAAGCGACGGAT
TATATATCGGCTTTAGAGATGCAGGTAAAAGCCATGACGGCGCTCGCTGAACTCCTCGCCGGAATCAAAGG
AATATCGCCGGAATCTCTAACGATTCTTGAGATTGGTAATCGTTCCATAGATTGCGAAATCGGGATCGCCGCC
GTGGTTTTTTTTCCCTTCTTCTCAATTGATATATATATATATATTTGTTCCCGCGGTAATATTATTTTATTG
TTTTGTTGTTATTCCATATGTAATCTTATTTGTATATTTTAAATTATAAATTTAGATTCTAAATTTTGGTAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12613NM_102013|Arabidopsis thaliana NADK2; NAD+ kinase/ calmodulin binding
(NADK2) mRNA, complete cds

TCATCAAGAGAAGATGACTGTACTTGTCGAACCTGACATACATGACATATTTGCAAGAATCCGGGGTTTGA
TTTGTCCAACTTTTTATAGCCAAGACACCAAGTACCTGCATGAGAAAGTTGATTTTGTAGCATGCTTAGGTGG
AGATGGGGTTATTCTCCATGCATCAAATTTATTTAGAAGTGCCGTTCCCCAGTTGTTTCATTTAATCTCGGGT
CCTTGATTTTTGACTTCTCACACTTTTGATAGTTATAGGCAGGACTTAAGACAAGTCATCCATGGAAATGATT
CACTCGATGGTGTCTATATAACTCTAAGAATGCGTCTTCAGTGTGAAATTTTTCGAAATGGCAAAGCTATTCT

GGGAAGTTATTTAATATTCTTAATGAAGTTGTTGTTGATCGAGGCTCCAATCCATACCTTTCCAAAATTGAATG
TTATGAACATGATCGACTCATAACAAAGGTCCAGGGTGATGGAGTCATTGTGGCCACCCCTACTGGGAGCACT
GCTTACTCTACTGCAGCAGGGGGTTCGATGGTGCATCCGAATGTTCTTGCATGCTTTTTACTCCAATATGTCC
CCATTCTCTCTCATTAGACCAGTTATACTTCCCAGCTCTGCACGACTCGAGTTAAAGATTCCCGAGGACGCAC
GGAGTAATGCGTGGGTTTCTTTCGACGGAAGAGAAGGCAACAACCTCTCAAGAGGAGATTCTGTTAGGATAT
CCATGAGTAGGCATCCACTCCCAACTGTAAACAAGTCTGATCAAACAGGGGATTGGTTTCGAGCTTGATTCTG
GTGCTTGAATTGGAATGAAAGGCTTGATCAAAAGGCCCTTTGAAGCCACAACACCATCAATGATTTCAAATTA
ATAAATGAGGTTTCTGTAAATCACTGTACATATATAGAAAATTTGGCTTTTACAGTAAATAGTCGATTCTCTAG
TAGTTCCTCAAAAGTGG

>trans_s_12614EF446163|Pyrus communis chalcone isomerase mRNA, complete cds

ACTTCCCTTCCCTACCTACTCATTACTCACATCTCTACACATTTCTCACGGACGCTTTTTCCATGCCGCCGGTGCC
TGATCTTCTGGCCTTCAGGTGCGAAGCTTCAATTTCCGCCCGAAATCAAACCTCCCGCCTCCTCTAAGACTCT
GTTTCTCGGCGGTGCAGGAGTTAGGGCGTTGGAGATCGGAGGAAATACTGTGAAATTTACTGCGATCGGTGT
TTATTTGGAGGACAAAGCTGTGCCGTCGCTCGCCGGTAAGTGGAGTGGAAAGAGTGCGGCGGAGTTAATGG
ATTCCGTTGAGTTCTTCAGGGACGTTGTCACTGGGGGTTTCGAGAAGTTTACAAATGTGACATTGATATTGCC
ACTTACGGGTGAACAATATGCAATGAAAGTGGCAGAGAATTGTGAAGCAGCTTGGAAATCCATGGGAATTTA
TAGTGATGAAGGAGCTGAAGCGATTAAAAAATTCATCGATGCCTTCAAGAACGAAAATTTCCCTCCTGGCTCC
TCCATTCTTTTCACTCATTTGCCTCCTAATACTTTATCGATTAGCTTTTCAAAGATGGGAACATTGGTGAAAAA
AAAGAAGAGATGGTGAGAAAAATAAAGAACAACTGCTTAGTGAATCTGTGTTGGAGTCCATTATTGGGAAG
AAAGGGGTTTACCTGCTGCAAGGCTTAGTTGGCTACAAGATTATCCCATCTCCTCACTCAATCTCAACCCAA
CACTCCCAACATTTGCAATCCTGTCCAGAATCCAAATCCAAACCACATCTCAACAATTAATCATATCATATCAT
CCATTTTCTATCTCAAATATTTAATAACTTTATTTTGTATGATAACTGCATTCCAAGACTACTTCTCTTTTAGGT
TGTTTTCTTGATAAATTGCTGTAATAACTAAATTAATTATAATTTTGTGCTTTGTTCTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12615NM_100614|Arabidopsis thaliana 17.8 kDa class I heat shock protein (HSP17.8-CI)
(AT1G07400) mRNA, complete cds

GATTCAATCAGATTAACCACGAACGAATCTAACAAAAATAATGGAGAAAGGTGAACCATCGGGTGTGTTGTA
CGAGGAATTTGAGCCTTTCTGCAATGGAAAAAAGTCTGAAGACTCTGACGTTCTTGAGGTTTCATCTCCAGAA
TTTAAGAAAGAAGAATTGAGGGTTCGGATAAAAAACAACCTCTATCCTGACGCTTTCCGGTGAGCACCTGACAG
CCAAAGATGGGAAGAAAAATGCATTTCAACAGAGAAATCAAACCTCCCAAAGGATATATACCCAGACGAAATTC
GTGCTAAATTTGGTGGCAATGTTCTTCAATCACAATGCCTAAGAAAGCTAGCCCGCCAGAAATCAGCAAACC
AAACCCGGACAATGCCTCTGAGGATAAACTAACACAATCCAATGGTAATGGTAAGCCAAAGAACTTCATATCC
AGGTAAAAAAGTCCATTGTGCGAGGTTGAAATTTAGCAAGGAAACGGCAACGGCTATGGCAGTGGCGGTGGT
GATTCTGGCCGTTGGAGTTTACTACTTGATTAATAAAGTGAAGCATATATATATATTTCTTTGTGTGAA
ATACATATATAGAATCAAACCTTTACAAATTTCAACTTGAATTCATGAATAAACAATTCATTTGCTAAGATCCTA
ATTAACCTCCTTGATTTCTGCAATTTCTTTGAACCTCGGGATAGCCATCAATCCCCATAGCTGAGAACTGACA
GTTCAAACGGTGGGGGATTCCAGATTATCCACTTTGATTTTATTTTGTATGTTTGTGTTTGTGTTTCATAGGT
AAAGGACAAGGAATTAATACTTGCAATTGTATTTAGTATAAAGATTGATATGACATCTTAACCGTGCGTCGGTAT
CACCAATTCGAATTTGTATCCAATTCTAGACACGTTACTTTGCATCAATGTATGTTCTTAATTAGGTAGTCCAC
AATCTGTGTCTTTTCTGCC

>trans_s_12616NM_100905|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR)
family protein (AT1G10310) mRNA, complete cds

AGGAGGGGAGAAGATGAGTTAAAGAAGCTGGGTGTGAATTTGGATCCATGGCGGTGTTGATAACAGGAGTTA
GCAAAGGGTTAGGAAGAGCCTTAGCCTTGAATTAGCAAATCGTGGCCATACAATTATCGGTTGCTCAAGGG
ATCAGATCAAACCTTGATTCTCTTCAACAACAACCTTTCCAACACTTCTCCAAATCGACATTTCTTCTTCAAACCTCGA
TGTGACATCAGACACCCATGTTCAAGAATTTCGCACAATTTGTGCGCAAAAACAATCTTGTTCTCTCGTATTCTTGT
GAATAATGCAGGTTTGGCACATAGAAGTGCAAAGATATGGGAACCTGAAGCAGAAGAATTTGATAATGTGAT
TGATACAAACGTGAAAGGAATTGCTAATATTTTGAGACATTTGTTCCCCTTATGATTCAAAACAACAATGGAA
TTATTGTCAATATGTCTTCTGGTGCTGGAAGATCTGCTCATGAAGATTTTGACCATATTGTTCTTCCAAATGGG
CAGTTGAGGGACTAACTAAATGTGTTGCTAAAGGGCTACCAGATGGTATGGCAATTGTTGCCTTAAATCCTGG
CTCTATACACACCGACATGCTTGTTTTATGCTGTGGTGATTGAGCTGCCCAATTTCAATCTCCTCACAAATGGGC
TATAAAGCAGCAACTATGATTCTTGATCTTACTCCAAAAGATAATGGAGAGTCTTAACAGTCAATAATCCAC
GTGAACCTTCAACGGCATAATTGATTTTTATTTGATGTATTTGCATTCTTGGCCACTAAATAGACAATGATAC
TTAATTTTGGATGCATGGTAGATTGTGTTAACTTGTTAAACCAATAAGGATCATAAATGCTTAATGTGCCTA
TTTGTATGATGAAATAAAATAAATATCGAATACACTAAAATATATCTCAAACCTATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12617NM_001075094|Oryza sativa Japonica Group Os11g0708400 (Os11g0708400)
mRNA, complete cds

AATCATCCTTACACCTTATGTTTCTGTATACAATCACTATCGATTTTTTTTCATTTCTATGCTAAATTTCTAATTAT
CACTTGCTTCAGTCAGGTCTGGATTTGCGAAAATGGTAGGGCCGCGAGACCTCTTTTTGTGCTTTTTGGTTCT
TCCATTGTTCAATTTAGCTTTGGCGATGGTGGATGGGGTTCTATTCTTGCCAATTTGTACTCTCGTCAGGCAGA
TATCTTGGTACGCGGCTATGCTGGTTGGAATTCTAGACAGGCTTTACAGGTTTTGCATCATCTCTTCCAAAGG
ACAGTCCCATTCAACCTTCATTGGTAATAGTTTACTTTGGTGGCAATGATTCTGTGCTCCGTTCCCTTCTTCTAA
GAAACCTTGTGTACCGCTTCTGAATATGTTGAGAACATGAAGAAGATAGCCATTCATCTCAAGAGCCTCTCA
GAGAAAACCCGAGTCATCATCCTTACAGCCCCGCTGTGAGCTATGATCTAATTAAGAAAAAACTGAGCCTGG
AGCAAGCTGAGTGTGCAACATTGGAGTCCTGTCGTAAATACGCCGAGGCTTGTAAGAACTTTGCAAGAAGA
TTGACGTGAAATGCATAGATGTCTGGTCTGCAATTCAGAAGAGAGATGATTGGCTCACTTCTTGCTTCACGGA
TGGGGTTTCATTTAACAGCAGAAGGAAGTGAGATAGTTGCAGAGGAAATTTGAAGGTTTTAGAAGAGGCTGA
TTGGGAACCAAGTTTGCACTGGAAAACATTGCCAATTGAATTTGATATTCCAATTGAACTATCCCCTAAAGGT
AATGAAAATTGATTCCACCCATACCTCATGCAAATTATTTTTGGGCAAAAACCTCGATCATGGTTGCAAATGTAA
ATATACCTTGAACCTTTATTTATAAAAAATTAACCTCTATATAAATTTAACCATTGAACTTATAAAAAAGACAAAA
AAAAATAAAAAA

>trans_s_12618NM_001053993|Oryza sativa Japonica Group Os02g0621100 (Os02g0621100)
mRNA, complete cds

GGTCTTTTGTGTTGTGAATATGCTGGAGAAATATTAACCACTTCAGAAATGTATCATAGAAAGGTGCAAAGCAC
CAAAAATGAGGTGCATGTTGACCCAGTATTATTAGATGGCTTTTGAATAAAGAAGGGCCTTTCAAGGAGGA
AAAAGCTCTCTGCTTGGATGCAACAACTTTGGAAATGTTGCCAGATTTATCAATCACAGATGCTTTGATGCAA
ACTTGGCTGACATTGCAGTTGAAATAGAGACTCCAGATCATCATAATTATCATCTTGCCTTATTCACTACAAGA
AAAATAGAGGGCCATGGAAGAGTTAACTTGGGATTATGGCATTGATTTTAACGATCTTGATGATCATGTTAAGC
CTTTTCTCTGTCAATGTGGCAGCCAGTTCTGCAGAAATATGAAACGATCTTCTAGATGACTTTTAACTCACGATC
TAAATCAGCATCAAGTACAAGATGAAGTGGGATGATGATGCTTCTGTTTTAATATCGTGGCTTTGCAAGATA
GAAGTTATTAGGAAATATTGAAACCATAATGAATTTGGTTCAGCTGACTACTGTCTAGTTTAGTTTTGAAGACG
ATGGTTCGGTTTTGGGTAGTAAAGCTGAGGATCAAACGCCGATTCACATTATGTTTTGGCAGTTAGTTTTGTGT
ATTAGTAATACCACAATGATGTCCATAGATTTTTGATATCTGGCCATGATGTTTAGTGGTGTGAAAGTTTTGA

AGATTATAGTTGGATCTGGTTGCTGCTGTTCTTCTGCGGAAAGGTGAATGAAGTTTTGTCTCTTCATTTTGTTT
CATCATCCCGTGAGAAATCTTGAAAACGGACGATGATAATTGTCATAAATCGAATCTTCAAACACATTTGTTGA
GCATAGCTCGTGTTGACATAAATATCATTTTATTATTGTCATATGGATGTTTTGGGTAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12619AY104120|Zea mays PCO142836 mRNA sequence

GAAAAAGAAAGAGAAGGGAAGAAAGCCCTAACAATATTCGTTCTCCCTCTCTTTTTCTGTGGAACAGCCCCAC
TTGAACTTTCAGCCGCCCAAGAAATCCTCTCTCCGACAACCATTAGCAGCGACTACTAGTGACTGAGCGACACT
AGAACCACCATCCAGCATCCCATTCTGTCTTCATCAACCACGCCAGACTCCGAGTTCAGCGACGGCGGCGCT
TACATCCTTCGGTGGCGGTTACCATCGACACCCTGGAAACCCACGCGGTCTGAACACCCTGGAAGCGACGTTT
TCCTCCCTTTCGGCAAGATCTTGATTTCCGAGAAGAATGGCAACATTTGAACTCTACCGCAGATCAACGATTGG
AATGTGTTTGACTGAACTTTGGATGAAATGGTTCAGAACGGTACTCTTAGTCCCGAGCTTGCCATTCAGGTTT
TTGTCCAGTTCGATAAGTCGATGACTGATGCTTTGGAATCACAAGTGAAAAGCAAGGTGACTATCAAGGGAC
ATCTACACACCTATCGGTTCTGCGACAATGTTTGGACATTCATTTTGCAGGATGCCTCATTTAAAAATGAGGAT
TCCAGTGAGACTGTTGGAAGAATTAAGTAGTAGCATGTGACTCAAAGTTACTTTTACAATAAGCTCTCATACA
TCAGTTCTATTCAATGAAATTTGCATAGTTATTTGCTGATGATGGAGCGAATTCAGTCACGGTGAGGAGGAAA
TGACCATCCAGGAAGTGATTCAAACGTGATTCTGTAAAGTCATCAACCTGAACGGCAAAAAGTTGCATTGACG
ATACATAGACTGAAATTGGCTTCTAAAGTTGATTACATAACAATTACGCGATCCTTCTTCTAGTTAACGATAAT
AAAACATGATATATGTTTCCATATTATGCTATTAATTTCTTGGTGAAGTAGTTCCTTTGAAGTACTTTCTGTACA
TTAGAATTCAAAATT

>trans_s_12620EU284121|Cucumis sativus gamma reponse I-like protein mRNA, complete cds

TTTGATGAGAGTTCTGCAGATTACAAATACTATGAATATCAGCTAGCTCAAGAAGAAAAAGCTTTATCACAGT
CCGTGCAACTTAAATCCTCTAATGATGGTGGGAGCATGCAAATTTCTAAGCCAAGGACTGGTTCTCAGAAATC
TCTCCAGCAGTCTTCTCATCAAATTATCAAACCCATGCCTCTGCTTTATATGAACCGTCAGAAGATTCAAGGAC
TTCGGTGGGTTTCATCCAGTACTACTGCATGGCCTGAAAGAGCAGGTGAAGCTAGACCACCATCAAGTGGAGA
TCCGATTGCAATGATGGAATTCTACATGAAGAAAGCTGCTCGCGAAGAGCGGATGAGACAACCTAAACAGTC
AAAAGATGAAATGCCTCCTCCTGCGTCTCTTCAAGCTTCAGCCTTAGGGAAGAGAGGGCATCACATGGGTGAC
TTCATTCACCCACGAGGAGCTTGAAAAGTTCTTAGCTACACGCAATGATGCATCTGCCCCGAAATTTTCTAAAGA
AGCCGCTGATAAGGCTAAAATTCAGGCTGATAATGTGGGGCAGAGTCTCTAAATGAGGATGGAAAGA
AGGTGAGGGTCTGGGAAGCTCCAAGAGTGGCATTGCAGATCCCATAATGGCAGGTGATGTAAAAACAAATA
ACTTGGGTGTTGGAGCCCATCAACCTGGTGAGGTGACTCCTAAAGACGATATATACGAGCAGTACAAAAGC
GAATGATGCTTGGTTATCGTTACCGACCGAACCCTGAATAACCCTCGGAAAGCATACTATTGATTGATGAC
GGTTCTGCAAAGGCATTTGATCATTCTGGCTCTGTTTCAAATTATGAGAAAAGCCAAACTACGTGGTGGGA
GTGGAAATTATCTCGATCTATTGTGGCATAATTAATGTCTTAACTCAATAAATAATCAATAGATGTAGTTCTTT
TATCCTGTCATTGATTTGTTTTTT

>trans_s_12621EF490993|Arabidopsis thaliana GL2 expression modulator (GEM) mRNA, complete cds

ACCCTCTTCTTCCCAACCCTTCTCTTTTCCCCATTTTCTCTCCTAACTAAAATACCCACCACAATCCCATATCT
TTGTTTCCCCACAATTTCCATGGAGCACCCCAAGCAGGACCCCGATAACAAACCTCCCATCTCCACCCACGA
TAACACCCCTAAATCTGATCCCAATGACGGTGTTCGCACCCCAATGGAGATGGGAATTGGGGTAATTTTCGTG
ATGGGTTTCAGAGAACCAGGTTCCACCCAGAACGAGCAACCTGTGATTTGACGCCCTCAAGAAAACCGTGC
GTTGGAGTACCGAATTGGTTACCGAGTCCCCTTCCGTTGCTTCTTATTCATATGGATCGAATACGAATACCTAT

GCTTCTCCGCTCCTTCCTCTTCGGTTTCCTTCAAAGAGACGGTGGATTCTGTATGGAGCGCGCTAGGGAGATG
GGGGAAGAAAGTCGGAGAAGCTACAAAAAAGGCTGAGGATCTGGCCGGAACACTTGGCAGCATTTGAAA
ACAAGTCCAAGTTTTGCGGATGCTGCGCTGGGAGAAATTGCTCAAGGGACAAAGGTATTGGCGGAAGGTGG
CTATGAAAAGATTTTTCAACAACTTTTGACACAGTACCTGAGGAAAACTTCAAAATTCGTTTGCTTGTTATCT
GTCAACGTCTGCTGGTCCAGTTATGGGTGATTATATGTATCTACGGCAAAGCTTGCGTACTGTAGTGACAATC
CTCTTTCATACAAGTCCGACGGGAAAACTGAATGGAGCTATTACAAGGTAGTGATCCCATTACAGCAACTTAA
GGCAGTTAATCCTTCCTCCAGTGGTATGAATCCTTCTGAAAAGTACATACAGGTAATCTCTGGTGATAACCATG
AATTTTGGTTCATGGGGTTCTTAAACAAAATGGTGCTGTAGAATGCCTGCTAGAATTCCTGAAGTACAAGC
AGTGCAATCGGTGTAAA

>trans_s_12622XM_002873548|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata emsy N terminus domain-
containing protein, mRNA

TAGTCGAGGTTCTTTAGGGGCCTTGCTTCAAATGAAAATGCTGAAGGAGCAACACATGAACATTTAATTGGA
CGTAAGGTTTGGACTAGATGGCCTGAAGATAACAGCTTCTATGAGGCTGTTATACTGATTATAATCATGCTG
AGGGTCGTCATGCTTTGGTCTATGATATCAATACAGCACATGAGACATGGGAATGGGTCAACCTTAAGGAGAT
ATCTCCTGAAGATATTAGATGGGAACGAGAGGTTCCACAGCATTGCGCAGTGGTGCTCGCCCTGGGCACGG
GAGGGGCAATAAGAAGTCCATGACACGAGGCGGTGCAGTTGCTGCTGGCGGAAGGGGTAGAGGAACCACA
AAGGGTCAATCAAGGAGAGACTTACCTGTATCCCAAATGGATCTCGGAAGCAGGCTACGGGTGATATTGAA
ATACTTCACACAGACACGTTAATTAAGAGGTGGAAAAAGTATTTGCTGCTAATCAGCCGGATCCCATGGAGA
TTGAAAAGGCCAAGAAAGTACTGAAAGATCACGAGCAATCTCTTGTCACGCAATTGCAAGGCTCGAAGATG
CATCTGATGGTGAAAGTGATGGGAGAGAACCATATTCTCAAGGACAATCAATGGTTCGTGTGTGATGTAAAG
TGACCCCGAAGCTCGAAAATGCTTATACCTGCAGACTTGCCAATAATCATCAATGGCAATGGTGATGAATCGA
TTTTGTTGAATGGACACAGCAGCATGCTCAATCCGTTGTGGCATTTTCAATTTTTTTTATGACCAACTGTGCAG
TACTGGTGCCTTGCTTGGCTTTTGTATTGATTGTCAAAGAGTTCTTGTTTTATTTAATCTCTATCTTAACTT
CACTAGAAATGTTCTTTCTGTAATACTTTATTCTATAGTCAATAGAATTCATGTAGATTAGTAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12623AY106901|Zea mays PCO090197 mRNA sequence

GAACTCCCAACTGCGCCACCGTCTGTTTTGACCCTTTTTCTGATCTCTCCCTTCGGATTAAATTAACCCTTTAAC
TTATTCTAACTCTCAGATTCTCTTCCCCCTATTGGCGGCAAGCAATTCTTGTTTCATCCCCTCATTTTCTAAATT
CTGAGATATGGAGCGATGGGCTATGAGATTTGTGGTGATGATGGCGTTTGTTGGGGTTTTGCTGTTGAATTTG
AGAAAAATCAGAAGGGATTAGGTTTGTGATCGACAGGGAAGAATGTTTCTCTCACCAGGTTCAATACGAGGGA
GATACTGTTTCATGTTTCTTTTGTGTAATCAAGGCAGATTCAACATGGCACTATGGCGATGATGGCGTTGATCT
TGTGATAAAGGGACCTACTGGTGAACATCTTCATGATTTCCGTGATAAGACTAGTGAAAAGCATGAATTTATT
GCTCACAACAAAGGCCTTCATCGATTCTGCTTCACGAACAAGTCTCCATACCATGAAACCATTGATTTTGATGT
GCACGTTGGCCACTTTTCTTATCATGAGCAACATGCAAAAGATGAGCATTTCAACCCTTTGATGGATCAAAATAT
CTAAGTTGGAGGAAGCTCTTTACAATATTCAGTTCGAACAACATTGGTTAGAGGCTCAGACTGATCGTCAGGC
AATAGTGAATGATGGAATGAGCAAAAGGGCAATCCACAAGGCAATGTTTGAGTCAGCAGCACTGGTAGGGG
CCAGTGTCCTCCAAGTCTATTTGCTGCAGCGCTTGTTTGAAAGGAAGCTTGGAACATCCAGAGTTTAATCAAAC
AAATTCACCTTTCCCTTCTTTTCTTTTCTTTTCCCTCTCTCCTATTTATGGCTTTATCATTTTGATCTTTTCCCTC
GCATGAACCTAACATACTAGTTGGTTCTAATATAAATTTTCTTCTTTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_12624HM579877|Brassica rapa C2 domain-containing protein (ZCDP1) mRNA, complete
cds

AACTTCTTCTTCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCGATTCTTCTTCTTATATATTTCTCATCTCCATAACTTCAAC
CATCAAATTCAGATTATCCCAACACTTTTGAAATGAGCAACATTAATCGTAATGGACTTCTTGAATTCGCCTC
CTCCGAGGCCACAATCTCGCCATTCGCGATGCTCCAACCTCGTAGCAGCGATCCCTACGTCGTCATCACCTGCGC
TAACCAGAAATTCAAATCACGCGTGGTGAAAAGAAATTGCAATCCAGAATGGAACGAGGAATTCACGTTTTCA
CTTACAGATATCAATACACCAATCAAACCTAGCAGTGTGGACAGAGATAGATTACAAAAGACGATGGAATGG
GGGATGCAGAGATCGACATAAAACCATACATAGAGTGTGGAAATATGGGATTAGAGAATCTACCAAATGGCT
GTGTAGTGAAAAGGGTTCAACCAAGCAGATCAAACAGCCTTGAGATGAAAGCCCTTGTGTTTGAATGATG
GGAAGATCACTCAAGATATGACTCTTAGATTGCAGAATGTTGAATGTGGTGAAATCATGATTCAGGTTCAATT
GTTCAATGTTTCTATTTTCAAAGGCCGAAGAACCTACTCTTAGCATGAACAAACCCTGCCCCAACTGCCTTG
GTTTTGATTTACTTCGTCGTTGTTGCCGTCGGTGTCTTCATTCTGCTTCTTCTCTGTTTTCTTATCAACAC
CAACTTCAGAATTTGACCATTTAATTGGCATGTAAATGTAGATTGTCATTTTGTGATATAATTGTGAAATTGTA
TTTACTATTGTTGAGTACTTAGAACACATTATTGTGTTTTGACCCGATATTTATTTCAATTCCTTGCTATAGTTT
TTTGTACTTTGAATGAAATTGATTCTATGAATAAAGTACTGATTGTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_12625AB206873|Prunus persica mRNA, microsatellite marker M21a

AAGCTGAAAAGAAAAATTGAAAATACAGCACAAACCCCATCATTCCAAAAGCAAAAGCGAAAGAAGAGAGA
GAAAAAGCGACAAACCCAGAAACGCAAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAAGAAGAGGAAGAAGAGGAAGAAG
AACAGAGGAAATTTGACGGAAATTCAAAGAAAGACGAAAAGGGTTTTGTGGGTAAAGAGGATGCAGCCTGA
ACAAGCTCAACAACAGCAACAGTTAATGGTGCAGAACAACACAGGAAGCTTAAGCTTCAGCAGCCATTTGTCT
AAGGAAGATGAAGAGATTTCCAGGTCGGCTCTTCCACTTTCAGAGCTAAGGAAGAGGAGATCGAGAGGAA
GAAGATGGAAGTTAGAGAGAAGGTTCAAGCTCAGTTAGGCCGAGTTGAAGAAGAAACCAAACGCCTTGCTT
GCATCCGTGAGGAAGTTGAAGCACTGGCAGATCCAATGAGGAAGGAAGTGGCACAGGTTCTGAAAAGGATC
GATGCCGTAAACAAGGAATTAAGCCTCTGGGACATACCTGTCAAAGAAGGAAAAAGAGTACAAGGAAGC
CCTTGAAGCCTTTAACGACAAGAACAAGGAGAAGGTTGAGCTCATCACGAAATTAATGGAGCTGGTGAGTGA
AAGTGAGAGGTTGAGGCTGAAGAAGCTGGAGGAGCTGAGTAAGAACATAGATACGATTCGGTAACCTGAATT
GATTGATTGATTGATTGATTGGAGCGAAGGATGACAAAGCGATAACCCTCTGTTTATTAGGCTTTTGGTGTGT
GTGATGTATTTAATATAAAGAAGAAAAAGGACTGTGTTGTGATTTATTGAAATCTGGGTGTTCTCTGTGTTT
TGGGTGTATTTTATAATTTGTCTTTGTTTGTGTTATTTTCTTTAGAGAAGTTACTCAAAAACATTTTAACTGAT
TTTAGGAAGGGAATTGCCCTATAACAGGTTTGTAAAC

>trans_s_12626NM_001051497|Oryza sativa Japonica Group Os01g0875300 (Os01g0875300)
mRNA, complete cds

GAAAGAGAGTGTTAGTGAAAGAGAGGGTTAGTGAAAGACTGGGTTGAAGACTTCAAAAATCTAATAGGGTG
GGGTGAAGTGGGGTTTGAACCTTACCTACAAGAAAGTTTAGTGTGCAGCAAAAAGAAGCTTTTGAACCTGGG
TGTCAATGGAAGGGTTTGAAAGGTATGGTAAGAAGAGGGTGATGGTGGTGGTGGATCATACATCAAATTCCA
AGCATGCTATGTTGTGGGCTCTAACTCATGTGGCTAACAAGGGTGATTTGGTCACTCTTCTCATATTGTTTCTC
ACTCAACAAACAGGCTCTCTGAAATGCCTTCTGAGTCTTCTTCTCCTCATTTCTTGCGAATTCTCTTGGCTATCT
CTGCAAAGCTTCTAGACCTGAGGTGGAATTTGAAGCACTGGTGATTCAAGGCCCAAACTGGAGACAGTTTT
GAGCCAAGTGAAGAAGCTTGAGGCAGCTGTTTTGGTGGTACCCAGAAAAAGCCTTCACTGTTTGGCTGGTG
GGTCCCAACACTCCCATCATCTCATATAGAAGCCTTTTTTTTCAACCAAAGAAAAAACAGTAAAAAGTTTGA
AAGGTTATGATTACTAACCTGGTGGACATGGTAATTTATTTCTTGCAGCTTCTGTGGGACCAACAGCTCAGA
GCAGCTTGTGTAACAGTGCATCAACCATGCAGATTGCTGTACAATTGGGGTTAGAAAACAGACCAATGGCAT
GGGAGGTTACCTTATCAACACCAGATGGCAGAAGAAGTCTGGCTTCTGCTTAGTTGTCTTACATTTAACA

GACAAAAAATATCACCAATGCATCATCCATTAGCTTTAATCTTAATCTTAACCCTGTAACCTAAAAGCTAGAAT
GAACTAGATGCTCTTTAGATTGTAGAACTCTTCATCGAAGTTCAATGTATTCCTCTCCCCCTAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12627NM_001062585 | *Oryza sativa* Japonica Group Os05g0517200 (Os05g0517200)
mRNA, complete cds

CCGGGGGTGGGGGGTTTGATAAAGTTTTGGGGGGCGGGGGGGCCCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
GGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACAAAATGAAAT
TATATGATTCATATTAGAAAACCTCTCAAATAAGCGGAGCGTTGAGCGAGCTCAGCCTCATATTAACCTATCCT
ACCATAACATCGCAGCTAAATTAGCTACTTATTCTCTCATTTAACTATCCACATTATATCTTTCCAATGTCAGTAC
AGTCAACAGAGCCATTCCAATCCGACGAGTTCTTCCCTTCAGCGGTTTAAGTTCAAAGCCTCAGGCTGATATT
GATTCATTTTACTTCTTTTAATAGTTGAACTCGTCCACCGTCTTCAAAAAGCTTGTCATTGAAACCCAGGGTC
AATGATTTTCTTCTTTTCTAGCTAAAACTAGCATGAAAAGCTGAAAGGAAAATGACACTATAGAAAAGTAA
GAGATATGTATTCAAATTCATCACCCAGCCAGCTTCTCGTACAAAAATCCCACTTGATCTTTGATCTACATGTC
CCGAAAAGCAGTGACATGGGGATTTTGTTCAACTTTCAAGAAGCATTTTCACCTTCTTCATCATCGGAGGATG
GTAATGGACTAGAAGCTTCAGCCAGGTACTCAAGCATGCTTATTACTTCGGCTGTGTCACTAAATAATATTTG
GCTTTGCTTGGTTTTGTCCAACAGTGCAAGGCAAAACTGACGTCGTTGGAGAAAGAATGTTACTGGAATGCA
TTACCAATTATTTCAAACATGTCCTCATCTGATCTGTCGTACCGATGCACAACACAAAGTCAGCAAGCTTTCCA
TCCTCTGCCATTGATGAAAAGATCTTTTCAGCCACAAGGCCTTTGGTAACCCCTGTGGTTTCACTTCTA

>trans_s_12628XM_002949645 | *Volvox carteri* f. *nagariensis* plastid/chloroplast ribosomal protein
S5 (prpS5), mRNA

TAAATGGAAATTTGGGTAAGTCTTATCGATCTTTCTTATTGTATCATTAACAAGTGATTAATATTAATCTGACTT
GCATACGACTTCTTTTCCGTAATCAATGATGTTTATATGTGTTGGTAGTAAATTAATTCAGTTATTGTCCAAATC
TAGCATCTTCACAAAAGTGCCTGTCCCTGGTTTGGGGCATAGGGGGAGAGAGAGAGTAAGTGCATGAATCAT
GTTGAAAGTTTGAGAACCTTTCTTCTGCTGATTCTACCAATCTTGACATAATGAGTGGTTACAAGAAATAACCG
AGTTCATATTATGCCTTCTTCTCAAATAGGCCCTACCTTTCTCTCTCCAAAAGGGTACCAAATCATCTAAATC
TTTACCCTAAAAAATTTCCGCACAGTTCTCGGCCAATTTGTTCTTCCCTACTAGTGGCTCTCTTTACAAGTCGT
AGTTTCAAGTGTAATGCACGGTGGCCAAATTGAAAGACAAATACCCTATGGAATTAATAACTGCATCCCCTCT
TTCTGAATCTGATTCCGAAAGTGTGTCTCTCGGTCACATAGCTGTCGTTGACAGTCTTTTCTTTTCTGATGTT
AACAGGTTGACGAGTGAAATTATCCATGTTTATCAGTTAGCTAAGGTTCTTCTCAGTTTATTGCGAAGCATCA
TTCCTCAATATGGTGGGAACCATGATTGTTGGTTCTTTGTGTATATCTGATACAGATTCTTGCTCCTTGCTCTC
CACCAAGTAGAAGCTTATATGCTTCCAACCTCATTACCATATTACATAATAGTAATGGCCTAAGAAGCTTCATT
AATCTGTATATTGTTGAAACAGCTAANAACCTCAAGATTCAAGATCTTGCAATTCAAGGTATTTAACAAAAAAT
TTTGTGCAAGAATGCATTACGAAATAAGATCAACTAGTTTGTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_12629NM_001074119 | *Oryza sativa* Japonica Group Os11g0241900 (Os11g0241900)
mRNA, complete cds

ATTCTGCATCCACAATAACTTTTAACAGGAGCAAGAGTAATCAGAATGCCTGTAGCTATGGAAATGGTGGGTG
GGTCTCGACAATAGTCGACCGCTATACTCTGTTTTGGATGTAAGCGATGGTTATCAGCAATGTGGTCATGT
AGACTGACCCAACGGACAGATTTTCTATGAAAAATATCGTTGGGTTCCCAAAGATTGTGAATTGCCAGCATT
TGAGCGGTCTGCATTCTGAAAAGAATGCAGGACAAAACCATCGCGTTCATTGGGGATTCAATTAGGCAGGCA
GCAATTTCACTCTTTGATGTGTATGGTCACTGGTGGGGAAGAAAGTCCCGAGGTTCAAGATGTAGGAAAGGA

ATATGGTCTTGTCAAAGCCAAGGGCGCAATTCGTCCTGATGGCTGGGCATATCGTTTCCCAAATACCAATACTA
CCATTTTATACTATTGGTCATCAAGCCTCAGCGATTTATTGCCTTTGAACACATCAGACCCAGCCACCGATGTA
GCAATGCATCTTGACCGTCCGCCAGCATTTCTAAGAAAATTCCTTCATCTATTTGATGTGTTGGTTCTTAATACA
GGACATCATTGGAACAGGGGAAAAATGAGACAAAATAGATGGGTAAATGTACACTGATGGAGTTCGTAGTGA
ACTCGGGAACCTAAAAGAAATAGGCATAGCTAAAAATTTACGGTGACAGTATCGTGAAATGGCTCGATTCA
CAACTCCCTTCCCATCCTCAACTCAAGGTTTTTTTCAGGACCATATCACCTCGGCATTTCCGCAACGGGGAAATG
GAATACTGGAGGTAGCTGTGACAACACGACACCGTTATCTGGAGGAAGCAGAGTAGAGCAGAATGGATCAA
GTGATCCAGTTGTTGAGAATGCTAAGAGGTACACAAGTAAAGATGTTGGATATAACTGCTCTTCTCTATCTAA
GAGATGAAGCTCACAATCCA

>trans_s_12630XM_002317315|Populus trichocarpa multidrug resistance protein ABC transporter
family, mRNA

AGAATTTTAGCGTTGGACAAAGGCAACTTTTGAGTCTTGCTCGGGCACTACTTCGGAGATCGAAGATTCTAGT
TCTTGATGAAGCAACAGCGGTGTTGATGTTAGAACTGATGCTTTGATTCAGAAAACAATAAGGGAAGAGTTT
AAATCTTGTACGATGCTCATTATTGCACACAGGTAAATACCATCATAGACTGTGATCAGATCCTTGTACTCGA
TTCTGGTCGGGTTTTGGAGTATAAACTCCCGAAGAACTTTATCAAATGAAAAAAGCGCTTTTTCAAAGATGG
TTCAAAGTACAGGAGCTGCGAATGCCAAATACTTACGCAGCTTAGTACTGGGAGGCGAAGGTGAGAAAAGGT
CAGGAACTGAAGAGAACTTTAAGGTAAATGGACAAAGAAAATGGCTGGCTTCCTCGCGGTGGGCTGCAGCA
GCTCAATTTGCTTTGGCTGTCAGCCTTGATCTTCACATAATGATCTTCAAAGTTTGGAGGTACAAGATGAGAA
TAGTATCCTTAAGAAGACCAAGGATGCCGTAATAATGCTACGGGGAGTTCTAGGAGGAAAGCATGATACTGA
AATTGAAGAAAGCTTGAAGGGACATCAAGTCTCTACCGATGGGTGGTGGTCGTCTCTTTTCAGAATGATTGAA
GGACTTGCTCTGCTAAGCAGATTGGGTGAAACAGGCTTCAAATTCAGAATATGGCTTTGAAGACACGAAGT
TCGATTGGGATCAAAGCACGATCTAGTTATTGACCGAGATTCGGTTAGGTTAACGTTAGCTTGAGACTTTCTTG
ATTCCAAATGTTTAGTTGTTGTTTCTTTCATTACGTGGCAGCAAAGAATGGCTTTGGGAATTCGGATTTTGG
ACATAATACATGATTTCGTGTAACCTTTAGGCAGTTTTTTTATTTCTCTTTTTCTTAATAAAAAATTTAAATTCCT
AGAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12631XM_002886241|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock family protein,
mRNA

GTTTTTGAAAGGAAGGTTGTTGAAGAAGATAATTTCTGGAACCTTCTACGGGGTGCTCAATCGAACCAATAGT
GTTTTTCTTCTTCTTTGCCCAAATCCCTTTGAAGAACACCATCGGAAGAAGAAGGGACTAACGAGGGATAGT
GAAGGGGAGATGGGAATCGACTATTACAAGTTTTACAAGTTGATCGCAATGCCAAAGATGATGATTTGAAG
AAGGCTTACAGGAAGCTCGCCATGAAATGGCATCCCGATAAGAACCCAAATAACAAGAAAGAAGCGGAAGC
CAAATTCAGCAGATCTCTGAAGCTTACGAGGTTCTTAGCGACCCCCAGAAGAAAGAAATTTATGATCAATAC
GGTGAAGAGGGTTTAAAGGGTCAGGTGCCGCCACCTGATGCTGGTGGCCCTGGTGGAGGAGCTTCCTTCTTT
TCCACCGGCGACCGGTCATCAACATTTAGATTCAATCCTCGAAATGCTGAAGATATTTACGCGGAATTTTTTGG
GTCTTCGAACCTTTTGGAGGAATGGGAGGGGGACCAAGGTTTTCAAGTAGCATTTTTGGTGATGATATATTT
ACTTCTTTTAGAGAAAGTGGGGGAGGATCCATGAACCAAGCGTCTTCTCGTAAAGCTGCTCCAATTGAGAATA
GATTGCCTTGTAGCCTTGAAGATTTGTACAAAGGAACCTACCAAGAAAATGAAAATATCTAGAGAAGTTTCAGA
CACGACCGGGAAGATTGTAACAGTGGAAGAGATCTTAACAATTGATATAAAACCAGGTTGGAAGAAGGGAA
CAAAGATCACATTTCTGAGAAAGGGAATGAGCAGCCTAATGTAATACCTGCAGATCTTGTTTTATAATTGAT
GAGAAACCACACAGTGTGTTCACTCGTGACGGGAACGACCTAATTGTCACCCAGAAGATATCGCTAGCCGAG
GCATTGACTGGGTACACTGTCCATCT

>trans_s_12632AB564545|Coptis japonica bHLH2 mRNA for bHLH transcriptional factor, complete cds

AGAGAGGTACGGCGGTGGACGACCCTTTGATTTCCGATCACATGGATCCCTTAGAGGATTCTAGTTGTTGGG
ATTTTCTCGATTGCTCCTTCTTCCCCGACGCCGACAATCTTATTAACCCTCCACTCGATCCTTTGTGGCCTCCTAA
TGATTCCAGGAAGGGTTCTTTAGCGGATACTGATGTTTCAGCCGGTCGTGTCGAATCTGAAGAAAATGATTGT
TCGAGGAAGAGGACACGAGATGGGTCGTGCGCTGGACCATCTTCAAAGCTTGTCGTGAGAGGTTGCGGAG
GGAGAAATTAATGATAGGTTTCTAGATTTGAGCATTGCTTTAGAACCTAGTAGACATACCAAACTAACAAG
CCGCCATACTTGATGATGCCATAAGAGTGTTGAATCACTTAAGAATGAGGCCGAAGACCTCAAACAACTA
ATGAAAAGTTGCGAGAAGGATTGGAGAACTTAAGGCAGAGAAGAATGATCTTCGAAAGAGAAAAATAATT
CTGAAGGAAGAAAAAGAAAAAATGGAACAACAGTTGAAATCTATAGCCATTCCATCTCCAGGGCTTATCCCTG
GTCATCCAGCTACATATCATGCTGCTTCAGGTAAGATGGCTGTTTTCTGTTATGGTTTGATCCCAATGTGG
CAATATCTTCTCCATCAATGCGAGATACATCTCAAGATCATGAGCTCAGGCCCTGCTGCTTAGTTTATTTAA
TTTTTCCAACCTTTTAAATAACTAGACTAGAGTCTCTCTTCTTCTTTCATCCATCCGTCCATCCATCCATTTT
GCTTACCAGCATGTAAATTTCTCTCAACACATTTCTGATTGTTCTTCTAAACAATTAGTTCCAAAATGGAACC
ACGATTTGCAAGGACTACTGTTTACTCTTTTATATATTTTCAACTCATTGTCCATTATCTACCCAAAAA
AAAAA

>trans_s_12633NM_001071438|Oryza sativa Japonica Group Os10g0486600 (Os10g0486600)
mRNA, complete cds

ATGTTAGTGGAACTTGTAAGCCGTCTTTCGTACTTCGTGTTTCGTGGGTCTCCTCTCCTTCGTTCATTTTATT
GTGAGTTTCGTACCTCGTGTTTCGTGGGTTTCGTTTTCACAGTAGCTCCCGACGGTGTACTGCTGCACCATCCGA
CGGGACCAACAATTCAAATCGCTTAATTCTTTCGACCCACTCTCCGATCGATCTCAATTCTTGACACCCACGATC
TCACGGCTGCAGATCTGCAAGTTTAAACGCCTTTGAACGCAGTTCATCAAGCTCAAGCTCGTTTGGTGAGAAAT
AGTGGAAGCTAGTTACTGAGCAAGAGATGTCGTACTTGCTGCCACATCTTCATTGAGGATGGGCTGTTGACCA
AGCAATCCTTGCAAGAAGAAGAGCGTCTTGTTGTCATTGTTTGGTCATGATTGGGATGAACTTGATGCGAG
ATGGATGAAGTGTGGCCTCAGTGGCAGAGACGATTAAGAACTTTGCTGTAATATACCTTGTTGGATATCACAG
AGGTTCCCGACTTCAACACAATGTACGAGCTGTATGATCCTTCCACCGTTATGTTTTCTTTAGGAACAAGCAC
ATAATGATTGATCTTGAACTGGAACAACAATAAGATAAACTGGGCACTTAAGGACAAGCAGGAGTTTCATT
GATATCATTGAAACAGTCTACCGTGGAGCAAGGAAAGGACGTGGTTTAGTCATTGCACCTAAGGACTATTCAA
CCAAATATCGCTACTAAGATTTCTGCTGCATCTAAACTCCTTATTCATCTTAAATATTATGTCCTATATGACAT
TAATAACCTCTAAAAAAGTTATGGTTGATTCAAGCATATTAAGTTACTACCTGTTTGTGAATAAAAGTGTA
TGAAACACAATTTTAAACGTTTATTTAGAATACTGAAATGAAATCTTAATTATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_12634XM_001701673|Chlamydomonas reinhardtii chlomyopsin 4 light-gated ion channel
(COP4) mRNA, complete cds

GATTCCTTTTTAATTAACCTTGATGAGGCATGAGGAACGACATCAAATGCTTCTGGCAGGTACATGAAAACTG
TTCTACAGAAGTTTGGGTTGGGATTTTTATAGAAAATCAGCTTTTTTTTTTAAGGCATCTGCATTGCATTCTTCT
CTTCATAGCATTTACGTCATCACATTAGGAGGATGTTCTCCATATCATTTATTATCATTTGATCTGTTTCTCCCT
TGTTGTCTCTTGGAACATCATTGATCATTTGAATCTCGAGAGTTAACTTCGCTCTACATGTGACCGTTTAGGAC
GTTTGCATCTCCTTAGGTATGGTTCTATTAATTGAGGGGTGATTAAGCTTTACTAGTCAGTATCTTGTAACGG
GAATTTCTTTTGAATTTTTATTTCAATTTTTATATATGTTAATTTTTCTTGATTACGACTGCTTGTTTGGTGGG
TCGGTTGTGACTGCTTGGCCACGTTGCCTGTAAGTGACTTGCTCAAGATGAGCAACCTTACCCAACTGAGT
GCTAGTGGGAGTTCTCTCCGTGCCACTCGATCTCCTATTCAATGATCCTTTAGATTATCGTGTTTCGTGTTCAA

GTTCTGCACATCTAGCAGAGACTTGGTTCGTTTCCCATCTGCGTTCCTATCTCTCAAGAGAAACATAAGTGTTCC
TGTGGGTTTGTTCATCGGAAGTCGTCATGCCCCCAGTTTCCCCTCGTCTTAGTATGCGGATGCTAGGTCCTTGT
CTGCCTATACAACCATGCACGTTCTATATAATATGTAATCAAGATTTTGTAAATTTGGCTTTTGCTTTATCTTTGC
GAATGTTTTTATAATTGCCAGGCTGGATCTTTTGATTTTTTAGACAACATTTGACTATCCGTAGCTGGAAATGCT
AACCTCTACTTCTTGCCTCCCAATTCATGATTCCTTTTAAATCCTTATTTTTTAAAAAAGAAAAAAAAA

>trans_s_12635NM_001084886|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat
family protein (AT4G07410) mRNA, complete cds

CACCCACTGAACCTCCTATAACAAAAATATTTACAAGTTCAGATGGGCAGTGGTTAGCTGCAGTCAACTGCTTT
GGAGATATATACGTATTTAATATGGAGATTATGAGGCAACACTGGTTCATTTCAAGACTAGATGGTGCCTCGA
TTACTGCTGGAGGCTTTCCTCAATGGAACAACAATGTGCTCGTAGTCACTACTTCTTCAAATCAGGTTTATGCC
TTTGATGTTGAGGCCAAACAATTAGGAGACTGGTCAATGCGACATACACAAGCTCTCCCTAAGAGATTCCAAG
AATTTCCAGGGGAGGTTATTGGTCTCTCTTCCCACCATCTGCCACTTCGTTGCCTGTTATTGTGTATAGTTCCA
GGGCAATGTGCTTGATTGACTTCAAGATGTCAGTGGATCAAGATGATGAATATGTCATGATAAGTGGACAAG
ATTCAACGGTGAAGAGTTTATGGGGTACTCCAATAAATGAGAAATTGAAACGTAAGTTAAGAGACTGCCAAA
TAGAGGGTAAACCACACGGTAGAAAGAATTTTGAAATTTTTCTTTTAGAGATCCTGTTTTACTTATTGGACAC
CTCTCCAAACTTCGCTATTGATTATAGAAAAACCATGGTTAGAAGTGGCCAACACTTTCGATACCGCACCTGT
GCACAGACATATATATGGGACTTAAGTCTTCATATTAAGGAGTTTTCTAGGTTTTTTTTGAATGTTGGAATC
CACCATTCTTCTATGACATCTCTCGATTTCTACAATTTTGTTCTGGGAGAAGGGTAATCTGAGCGTCTAAAGCA
GCAGTGTTGTATTGTATTATTGAATTTTTTCTTGAACCTAAAAGTAGTTCTTTTAGTCTACAAAGCTCTTGAAT
ACCCCTCCCCTCCCCTTCTTAACAAATAATAATAGTAGAAAAAAATACCCCAATCAAAAAAGAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_12636AY513612|Capsicum annuum ring domain containing protein (Rma1H1) mRNA,
complete cds

TCCATCATTTATCTCTCAGACTCAAACTTCCTCTTATCTCTGTTTCCCGTTCTGTCTTCTCTCCTTCTTCACTTT
TTTCATTTCTGCATTAACATTCCCTTTTTTTTTGTGGAAGCAATTTTCTCTATCTCTCTCAGGAAACATCTGC
AGTTGCTCGACTAATCCATGGCCTTTGATCAGTACTTTGCGCAAGGATGGAAACATGTTTCTGGCACGGATCG
AGAGAACTACAAGGGTTGTTTTGATTGTAACATTTGCTTAGACTTTGCCCATGAGCCTGTGGTTACTCTCTGTG
GCCACTTATACTGCTGGCCTTGCACTATAAATGGCTTCACGTCCAGAGTGCCTCTCTTGCCATTGACGAGCAC
CCGCAGTGCCCTGTCTGCAAGGCTGATATTTCCACACCACAATGGTTCCTCTTTACGGTCGTGGCCAAATGGC
AGAGGAAGTCGAGCTTGAAGCCAAAGCAATGCATCGTGACATTAATATTCCTCCTAGACCTTCAGCTTGTGGT
AACCAGATTCTCGTACTCCAGCACACACCAACAGCAACTTCATATCGAAATCCTTACCAGCGACCGAACCA
TGACCCCTTCTTTTTGCCAATTATGAAGAACATTGAGCATCACCTTGCTAAACCTTGCAAGAACATCATTGAG
TAGTTTTACCATCCAGTGGTTGGAATGATCGGGGATTTCTGTGCATGCAAGGGTCTTTGGGAACCTCGGATAAC
TTATACTCTTACCGAACTCTTACCAACTAACAGGGAGCAGTAGGAACCGACTGAGAAGACAGGAAATGCAG
GTAGACAAGTCATTGAACAGAATCTCCATTTTCTCTTCTGCTGTGTAATTCTATGCGTCTTGTCTTCTAATGA
TATTCTATTCGTGGAAACACCCCATTTTCAAGACAAGAAGAAAGAAAGAAAGGAAGAAGAAAGAAACAAAGA
AAAAA

>trans_s_12637X84319|S.tuberosum TYKY1 mRNA for NADH:ubiquinone oxidoreductase

AGGTGACCTCTAGCGATCACAAAGCTCAGTCGTTTCAACAGAGAGAAGTATATTTGGGAATCCCTCCCTGTGA
GTAGCGGTGAAAAACATTGGCTTCGCCATGGCTGCGATCTTAGCTCGGAAATCCCTTCTCGCTCTTCGTGCTCG
TCAGCTTGCTGTCTCTGGGCAAACTGCAAGGTTCTCCTTTTCATGGTCTCCAGTCAACACACTTGACAGTA

CCAACAAAGATGATGAAGAAAGAGAGCAGCTTGCCAAGGAGATCTCGAAGGATTGGAGTTCTATTTTGGAGC
GTAGCATAAACACACTCTTTCTCACTGAGATGGTCCGGGGTCTATCACTGACTCTTAAATACTTCTTTGAGAAA
AAAGTCACTATCAATTATCCATTTGAGAAAAGGCCCTTAAGTCCTCGTTTTCGAGGTGAGCATGCCCTCCGACG
ATACCCTACTGGAGAAGAACGATGCATTGCATGCAAACTTTGTGAAGCTATTTGTCCTGCTCAAGCAATCACA
ATTGAGGCTGAGGAAAGGGAAGATGGTAGCCGTAGGACCACAAGGTATGACATTGATATGACCAAATGCAT
CTACTGTGGTTTCTGTCAAGAGGCATGCCCTGTTGACGCCATTGTTGAAGGACCAAACCTTTGAGTTTGCTACAG
AGACTCACGAGGAGCTTCTCTATGACAAAGAAAAGTTGCTCGAGAATGGAGACCGGTGGGAGACTGAGATT
GCCGAGAATCTTAGATCTGAAAGCCTCTATCGCTGATACATTCACGGTGCACTCTGGATTTGACTTTTCTCAGT
GCGTTCATAATAAGATAAACATGAGCATGTTGTTGAAATTCTTTCATATTCTTGGTACACGAGTTGAGAACACA
AACTTGTTGCTTATTACTGCCCAAGTTTGGGATTTTCTCAGAAATCTTTGTTTTCTCCCAATAAAAATGG
GAATTCTGTGGGTTTC

>trans_s_12638CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

TGTTCTAGAACTTACTGGCAAACTGCCAGAGCATCCGAAACAGAAGTAGGTTATATCAAATGAGACCACAG
CGACTTAGAGTACGCCTTCCTCGTCCTTTGAGCACCATGCTTCCTCTGAGGCCTTACTCCTGGGAGGAAGCAAT
CGGATCATCTGTACTTCTGGAAGCAGGAGGAGATGACATGAAGCTCAGTGATGAAGTGTTAGTTGCCTGCAA
AGCACTTAACTAGCTGGAAAATTTGTTGTCATCACTCAGAGTTTAAATTAATCGTTAGCTGTGCAAGCTTAG
TGGACTTGGGCAAGCCTGAATTTGAGGCATTGCTGCTGATTCCAAATGGGTGATAGAGTCAGCTATTGGTTT
GGAACTGTCATTCATGCTGACACCAATAAAGATGGAAGTGTGTCACATCGTCGGAAGCAGTTCCGATTTA
TTATCAAGGCCAAATAAATCTGTCCAGAAAAGAGTAATTGGGAGAAGTAGTACGGCAGTGAGATGGACCGGT
CCAACCTCTCTCTATTTTTGAGACAATCCTTGAAGTCAAGGAAGATGCCGAAAACCTGTTGAAGAT
CTTGTTATCTGCAATCGAATTAGCCAAAGACTGGGGCTGGCACCGTGGTCGTCATGTTCTCCACCGATATGAT
GTAAATAGGCCAACAGCTCCTTCATCTTCATGTCCAAATTTTTCTCTCCACACATTTTTTAGGTAGAAAACCTT
GCTTAATTTGTAGCTTTTTCTGGTTGCAGTTAGAAAGTATGTGTATATGTATAGGCGTTCACTCTCTAAAGTG
GAGAGCAATTTGCAACCACATTGTAAATTAATTGTTCTGTGATTACATATGTACCAATTGTTTGAATAAAGTTTT
TTTTAAGAAAACGGAACTTATTTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12639NM_001071432|Oryza sativa Japonica Group Os10g0485500 (Os10g0485500)
mRNA, complete cds

TCATTTGATCGATGGTTTTGTAAGAGTACGCGCGTGTTATGATATGAAGATTGAAGAACAAGCCTTTTTTAAT
TATTGTTGTTATTATTATTATTATTATTAGTACTTCAATTTACAGCTTCGAATTGAAAATCCAATCATTCTCTC
CCACATTTCTTTTTGCTTTAATTGATATTCTTCATCGGAGCAAACAGAGTGGTAGGTGAAGGTTTCTTTCTT
TGAATCGTAAGATTAGATCCTTTCTTCTCTCTTCGTCTCAATTTGAAGAACGATTCGGATAATTCGAGT
AGATGTCCCCGTGCAATAGTTCAGCCAGTGGAGTTAATGGACATGGAGGATCGAATTACATAGAGCATCAAA
TTTCTAGAATGGATACTCTCGCTGGAATCGCCATTAAGTATGGAGTCGAGGTGGCTGACATTAGGAGATTGAA
TGGCTTGGCAGCAGATCTTCAAATGTTTGCTTTGAAGAACTGAGAATTCCTCTACCAGGCAGACATCCACCAT
CACCTAGCCTGTCCGATGCTTCTGCTGTTACAGGAAATGGATCTGTAAATGAGGAACCTCTACATTTAGGCCAA
CCTACTAATATGCTAACTCTTTGCAATCTTGAGATTGAAATCACCAAACCAAAAAGCCTCCCCTGCCATGAG
CACATTGCAAAAATACTATGGTCTAAGTTCACAACTCTCAAGACCTCATCAGTAGACATGGAGATGTCTGTAT
ACAGAACTGAAAATTCAAATTCATCAGTGATGGGTTGTTTTCCAGAACCTCTGTACTCTCTACACCACCTCCA
AACATTTACTCGAAGACCAGGAAATATGCTGGTAGTTTCTGGACCGAGAATGACTCAATAACCGAGCATCTAT
TACGTACAGATTCTGGAGATGGAGAGAGCGAGAAATCTGATGAGAAATTAGTTCGAAGGCGTCAAAAGGCT
GAAGTCGAC

>trans_s_12640NM_001065147|Oryza sativa Japonica Group Os06g0724400 (Os06g0724400)
mRNA, complete cds

ATATTTTCTTCCTTCCATCTCTGTTTTCCCTCTTCTCTTTCTCATTCTCAACTCCGTCTCCGGCTATCGTTCTC
TCCGATCAAGTTTTCGATTTTCCTGGCTATGGAATCTCTGATCAACGTTCTTCTGCTGCGATCGTTTCCTCTTCT
TCCTCTTTTCTATATCTTCTCCTATCAGGAACCTTCTCTTAGATCTTTCCAAGTTCCGCACGCCTCCAAAGGTA
ACGACAATGAATCTGATTCTCAGTCTGATTGCAACAATATCAGGAACCTTCCAATCCTCAGTAAACGGCATCTC
TCCCTTCTCCTCTTTCCAAAGATGTCGCAATGGGAATGGTGCTTAGTGCAGCCACGGGAAGAGGGTGGACGA
CAGGGTCTGGCATGGAAGGTCCCCCAGCTCCGGCTGGGCTGGAGGCCAAATCAGGCACAGAGAATGTATCCA
CTTTCCCATGGTCTCTTTTCAAAAATCTCCTCGGCGAAGAATGCTTGTGGCTTTTACTTGTAACATTTGTGGGC
AACGAACAACACGGGCGATTAAACCCCATGCTTATACTGATGGCACTGTATTTGTGCAGTGTTGTGGATGCAA
CGCATACCACAAGCTCGTGGACAACCTGAACCTATTTATGAGATGAAATGCTACATCAACCCAAGTTTAACT
ATGGGAGTAATGGATGGGGTATGTGAACCTCAAATATCTGGATGTGGAAGAAGATGGAAACGACGATATTT
TCCCAATACAATGAGGTAAATACTACGCTCAACTGCTCACTGAGTATGTACATTCTGGACTCATCAGTACAAGA
AACAATTATTTGGTATGTATATTGTTCTATATATCAAATAGGAACCCGATTTGAACATAGAAATTGAATACATA
GATTCTGCAGGTCGCAATCAGTAAAACAAATTTTAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_12641AY315650|Pueraria montana var. lobata isopentenyl pyrophosphate isomerase (lpi)
mRNA, complete cds

ACTTGTTCAAATCGCCTCCGATCTCCTTCAAAGGTGAATTGCAGCTCATTTGATCCTTCAATGGTGGACTCCCC
AATTTCCCAATGTCTCTAAGCTTTAACCTCCTCAAAGCCACTCTCTCCCTTCCCTCTCCCCTTCCATTTCTTCTC
TTCAAATGTAGTTTCTTCTTCCGTTTTTTCCCCTCGCCCCATCTTCTCCAGGGTCTCTCGGAGCTCCCTCTCC
ACCAAGACCGCCATGGGTTCTGCTCCTGATGCAGCCATGGATGCCGTCCAGAGACGTCTTATGTTTCGATGACG
AATGCATTTTGGTGGATGAAAGTGATAACATTGTTGGTCATGATTCTAAATATAAATTGTCACCTGATGGATAAT
ATTGAGTTAAATAAAGCGCTCCATAGAGCTTTCAGTGTCTTCTTATTTAAACAATAAATTTGAGTTGCTTCTTCAG
CAACGTTCTGCAACAAAGGTAACATTTCTCTTGTGTTGGACGAACACCTGCTGCAGCCATCCGTTGTACAGAGA
ATCAGAGCTGATTGAGGACAATGCACTTGGAGTAAGGAATGCCGCACAGAGAAAGCTTTTTGATGAACTTGG
CATTGTTGCGGAAGATGTACCGGTGATCAATTCATTCCATTGGACGCATTCTCTATAAGGCCCCATCAGATG
GAAGATGGGGAGAGCATGAGCTTGATTACCTCCTGTTTCATAGTTCGGAATGTCAATGTGAATCCGAACCCCAA
CGAAGTGGCAGATGTCAGATATGTGAACCAGGAACAGTTGAAAGAATTGGTGAGGAAAGCAGATGCTGGAG
AGGATGGACTGAAGCTTTCACCATGGTTCAAACCTAGTTGTGAACAACTTCTTATTCAAGTGGTGGGACCATCTT
TGAGAAAGGAACTATCAATGAAATTGGTGACATGAAACCATTACAAGCTTTACTGAAACCCGGATAGAGA
GGCGTT

>trans_s_12642NM_001063520|Oryza sativa Japonica Group Os06g0182500 (Os06g0182500)
mRNA, complete cds

AATTTTCTCAAGTTTAAACATGAACTAAACCAAGAAATTCATTGGGGATTGTTGAAAGGGAAGCATTGAA
CAATGCCATGGAAGGGGAAATGAATGGATATCACCATTATCCGAAACTCGCGGGCTCTGCTTGTGCGGAAGA
GCAAACCATTTCCATTGTTAGAATTTGATCTCTTTATCTCGATTAACTCAAGATATAAGACTGTTTTATTAA
AATAATTGTTTCTGAATTGAATTGAATTGCTCTGATCATGATCATTATTGCTATTAGATTCATGAGAGGAAACA
TATTGGGAGTCGTTCAATCCTTAAGTTACTCACACAGCAACGCAGACTTGTTTCGTAATTGTGAAGTTACGACTA
TACTCATCCTATATGGTCTTCCAGATTGTTGACAGGATCCATTCTAGCACATGAGATGATGCATGCTTGGTTA
AGGCTTCAAGGTTATCCAAATCTAAAACCCGAAATTGAAGAAGGTATCTGCCAAGTCCTAGCTCACATGTGGC
TGAAATCCAAATCAATGTGGGATCTGAAACTGCCATGGCTACTGCTAGTTCATCTTCTTCCCTGCGACCTCCA

TGTTCAAACAAGGACAAGAACTGAGTGAAATAGAGAAGAACTTGGCGAATGTTTCATACGCCAAATCGAA
CTGGATGCTTCACAAGCCTATGGAGATGGGTTTCAGGGTGGGAGAGCAGGCAGTTTCCAAGTATGGTTTGAAG
GAAACTCTTGATCATATCAAACCTCACTCAAACATTCCCCTTTGAAAGTTGATATTGTAAGAAAAGAACTCG
GGGATTGATTGTACGACGTTGGGAAAAAGTGAAAACATGTAATAAAATGAATAATCATGCCACTTAAAAGTTC
TATATCTGATTAATTTTTAATCATAACCCTCTAATAATGAAGATGTGGAAATGAATTATTGGCAAANAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12643NM_001055386|Oryza sativa Japonica Group Os03g0129900 (Os03g0129900)
mRNA, partial cds

AAAAGGGAAGAGGACGCCCGCGAAAAACAAAAAGAAATGGTGTAATTTGGGAAGGAATAAGTTAACCTGGCT
AGAGATAGGCTTAATTTTATTGATTTTTTTTTTGGTTATATTTGAAATATAAAAAAAGAGGTGACAATCACTC
GATTTTATTAATAAAATTTGCTACCGCACCAAGTCTCCTATTTGTTTCATATTTGTTTGCTTAGCAAAATTTCCGA
GAGGACGACAGCAATTGATAATTTGATTTGAGTGAAAGCTCAGCAACCGGAGTCGACAGCCGAAGAGAGAG
CACAGCAGATCAATCATGGAATTTGAGGGCTCCTCCAAGAAGATGATAGCCACCCAGGCTGAGATGGTCGAG
GCTAGGGTTCCAATTCCTTACAGAGATCAGTGCGCTCACTTGCTGATCCCTCTTAATAAATGTCGCCAATCCGA
GTTCTACCTCCCATGGAAATGCGAAGACGAGCGCCATTCTACGAGAAGTGTGAATATGAGCTGGTTATGGA
GAGGATGCTTCAGATGCAAAAGATCCGTGAGGAACAGGCCAAGTTGAAGGAGGGTATTCATCTCATTCCCAA
ACCTGCCAATGTATGACCTCATTCTTCAATTAGCTGACAGGAAGCATTAAATTGCTGAGATATGTGAAGGTTCA
TCCTTTTCCGGCAAGAGCAATGGGAAGGCATTTGATACTGTTTGGTCGATTGAAAAAAGTCAATAGTTTTCCGA
GCTTTTTAAATCTGGTCAGAATCCTTGATTCGGGATTTGGAATAAAGTTACCCCTTAAGCAAAGAAGTGTAAC
TTCATCCTTTGTTTTCTTGATTAATAACGTTTATGTCGATGTGTACTATTATCCTGAATATCATTTTGCTTTGT
GGACTTTGCCAAAATGTCTCGAATTTTGGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12644NM_125925|Arabidopsis thaliana AtRABA4a (Arabidopsis Rab GTPase homolog
A4a); GTP binding (AtRABA4a) mRNA, complete cds

GAGATAATTTGCAATTATTGTAATTGTAGATGATTGATTGCCTTAGCTTTCACATAAACATTGCTTCGTGTTACT
GGAGATCTGCTGTACTTCAATCGCTTCTTCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGCTTCTTCTTCAGTGTTTTT
GGAGAAGGGTCTGGTGAGCTTAGAGTTGGAATAATGGCGAGCGGTGGTGGGTATGGGGATGCTAATCAGAA
GATTGATTATGTGTTCAAAGTGGTGTGATCGGAGATTCTGCGGTGGGTAAATCTCAGATTCTTGCCCGGTTT
GCTAGAAACGAGTTTAGCTTGGATTGGAAGGCTACTATCGGGGTTGAGTTTCAGACTAGGACACTCGTTATTC
AGCATAAGAGTGTTAAAGCTCAGATCTGGGATACTGCGGGCCAGGAGAGATACAGAGCAGTTACAAGTGCAT
ATTACAGAGGGGCTCTTGGGGCAATGCTTGTATGATATCACGAAACGCCAGACCTTCGATCACATACCTCG
GTGGCTCGAGGAGTTGCGGAGCCATGCTGACAAGAACATCGTTATCATCTTAATAGGAAACAAAAGTGATCTT
GAAGACCAGCGTGCAGTCCCCACTGAGGATGCCAAGGAATTCGCTGAAAAAGAAGGTTTGTTCCTTGGAG
ACCTCAGCACTGGAATCGACCAATGTGGAGAATGCCTTCATGACTGTCCTAACTGAGATCTTCAGCATCATGA
ACAGAAAGAATTTAGCTGCTGGTGAAAATCAAGGCAACGGCAACTCTGCATCCCTCGCCGGTGGTAAGAAAA
TCATTATCCCTGGACCGGCACAAGAAATCCCGGCTAAGAGCAAGATGTGCTGTTCTTCAACATGATTTGTTTG
GAAGTAGGGTGAAATGGGGCGATCTAGGTTGGTGCAATTCCTTGATAATAGCAATTTTTTTTTTACTGGTGTG
ATGTTTTTCTGAGG

>trans_s_12645BT005856|Arabidopsis thaliana At1g68490 gene, complete cds

TCAAACGCCTTCTCGGGCCACGAGGAGATGAGAACCTCTGTTCCCTTGTCCTTCTGACTTCAGAGATCAACT
TGTTTGCCCTAAACCACGTCGTCTCACCGTCAACGCCCACTCCGATACTTCCCTTCGATGGAATCTAAGTCACCA

AGTTGAGCCAATCGACATGGCCGCCGACCGGATCTCCTTGACTTCCTCCTGACGAAGGGCGGTTGCAGCGT
GGACCAATCGTTTACGCAGTTGGCTTCGTGCCCCCGTTTTATGTGGGTCGCCGCCGAGCAGAGTAGCCAAC
CCTTTGATTAGGATGCTCGATTTAGAGAAGAAAAATTCATCCCTTTACTCCGATTGCTTCGCCGTCCGGTCA
GTTGTCGCCGTCTACATCCTCCAGGAAAGGAGGCCGCGTAAGGGCGAGTTTTGGAACAAACCAACGGTGAG
GGTTGAGGGTTTTGATTGCCTTGATAGGGATAGGCAAAATTGCAGCATCCCTGCTTTCGCCTAAAATACAAAG
ACAAAAGTCATCTTCGTTTTACAGTTTCAAGAAAAGCAAGATTCCCAATACAAATAGAAGAAAAAAGATTC
AAAAGAGATGAGTCTCTCAAGAGAAGAAAGGTTACAATTACAATTTGCCTTCTTTTTGTGAATATGTTTGAAG
TGTTCTTTGTAAATGTAAATAAAAAATTTGCCCATGTATACTAAAGCTGTGTATTTAAGGCTTTCCCTTTCTT
TTCTCTTTGAGTTGAGAAGAATGCGATGAGTGTATGTCAACCTCTTGATTATACTTTTGAATTAGAAGTCTTA
AGGTTGAGGAAATTTTCATTAGAAAGTTCAAAGTGAGAAAGATCTAATCTGTACATATTGCAAACCTGAACCTC
GAGTCTGTTGAAGTCATCGAGATGTGAATATTGTACAATAATTGTGAATTTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_12646FJ771992|Vitis vinifera cultivar Cabernet Sauvignon stress induced protein (SIUP1)
mRNA, complete cds

AAAAACAGAGGAAAACGAAAATGGAACGAAGAACCCATTTCCCAATCCAAACCCTTCATTTCTTCGTTGTTT
CGAATCTCCTTTATATCATTTTCATCTCCTTTCAATGGCTTCACAAAACCCATAACTCAAAAAACCTCTCCAACCC
CATAATCCCCCACTTCACTTAAAGCCTTTGTTTCTCTCCGTCCCATGGCTTCCCATCAAACCAGACCACCTTCAAC
GCCTTATTCACCTCTAAACGACCAACAACAAGACGACCTTCAAGACATCGACGACTCCATTTCTCAAATGGGT
GTGGCTGTTTTAGCTGTTTCGGGTTTCGGATCCAATCGGAATAGGAATTACGAAGGTGCAAATCTTCTGCAACA
GAAACAAGGGAGGGAGGAGAGGAGTTGGATGGTGAAGAAATTGAAGAAGGTGAAGGAGGTGTCGGAGAT
GGTGGCTGGACCGAAATGGAAGAATTTATTAGAAAAATGGGTGGATATTTGAAGGGGAAGAAACAGAGGA
ATCGGTTCCAGTATGACCCCGAAAGCTATGCTTTGAATTTTCGATGGGGGATTTGACGGAGAAGAAGATGATC
ATCATCCACCTATTGGGTTTTCTCGAGGTTTGCTGTGCCTTTGGCTTCTAGGGAATAACATTGAAGCAATTAA
TTTGATTGATTGATTGATTTTCATTGCGATTGTTAATGGAAATATTTGCAATGTTTAATTATATACAAAAAGCATT
ACGATGTGTTATTTGATTTTGTGTGTATATATTATTGAGAAAGTTGGAATTTTGGTAGGGATGACCTAACT
CATTACAAACGGAATATCATTTGATCAAAATTTTGATTCTTACCTGCTAAGCTCTTCTCCAGCTCATTTATTCT
TTTGTTCAAAACACTTGTGAGTCAAATCACATTCGAATGTGAAATTTGGGTTATTAGTTCTTCTCTTCTATT
TTTTCT

>trans_s_12647NM_122220|Arabidopsis thaliana NCLPP7 (NUCLEAR-ENCODED CLP PROTEASE P7);
serine-type endopeptidase (NCLPP7) mRNA, complete cds

AGTGCGGGAGAGAAAGAGAAGAAAGAAACTCTAAAATCTGGAGATCGAATCTGAAGCTGATAAACCCCTCGA
TTTCAATCCCAACAAATCCAACAAGTTACCATGATTTGGAGGAGTTAGCTTCCACTTCAATGCTGCTTGCTGC
AAAATCTACAGCTTCTGCCAGCGGAAGAACGGCGATGAGGGATTTTCGTGCGCTTACAGCTTGGTTCCAATG
GTCATTGAACACACATCCAGAGGAGAAAGAGCCTACGATATCTTCTCTCGTCTTCTCAAGGAGCGCATTATTTG
CATCAATGGCCCTATTTCTGACGATACTGCCCATGTTGTGGTTGCTCAGCTTCTTCTCCTCGAGTCTGAGAATCC
CTCGAAGCCCATCAACATGTACCTCAACTCCCCGGTGGCGCCGTCCTGCTGGGCTTGCTATATACGATACTA
TGCAGTATATAAGATCACCCATCAACACCATCTGTTGGGTGAGGCTGCCTCGATGGCTTCTTCTTCTAGCC
GCTGGTGCCAAGGGTGAGAGACGATCTTCCGAATGCAACTATCATGATTACACAGCCTTCAGGTGGATACA
GTGGGCAAGCAAAGGATATGACAATTCACACGAAACAGATTGTTAGGGTTTGGGATGCCCTAAATGAGCTGT
ATTCCAAGCATACGTACAGTCAGTAGATATTATTGAGAAGTATATGGACAGGGATTATTTTATGACCCGAGA
AGAGGCGAAGGAGTTTGGCATAATTGACGAGGTGATTGATCAAAGGCCCATGCCCCTGGTGACCGATGCAGT
TGGAATGAAAGCAAAGATAAGAGTTAGGAAATTGAGGTAGAATCTGATGTGAAAACATGGCATTTCAGTT

TGAAACTCGGTGACCGGAAAGGGTAGTTGCTGCTTCTCCTCTTCTGCTTCTTCAGATCTCTGATAGGTTG
AACGTTGAAGGAAGTAGGAAAATGTTTCTCAAAGTGCAGTTACCGTGGAATGTCATAATCCTGCTGAAAAC
TAGATGCAAAGGGCTTGATGCTCCAGAGGTCTATTATAATCCGTCTACTAGATGAATTTGCCACCAAAAAGGC
CACCAAGGATCTCGGCTATTTCTTGCACTTACTACTCTAGAAAATATAGGAGAAGGGAAAGTTCGTCAAACA
GGTGATGTCTTGTTCCAGTTACTTTAGTGGTATCACCTTCAAACCTTTATAGGGGAGAGATCTTGGAAGGGGT
TGTTACAAGGTTCTCAAGCATGGTGTTTTCTTGAGATGTGGCCCCGTCGAGAACATTTATCTCTCTTACCTAA
AAATGCCAGACTACCGCTATGTGCCGGGTGAGAATCCCGTCTTCTGAAACGACAAGCTCTCAAAGATTGAGAA

AGACGTGGTAGTGCGTTTTATTGTGATTGGAACAAAGTGGCTTGAGGCCGAAAGAGAGTTTCAAGCACTTGT
AAGTTTGAAGGTGATTATCTAGGGCCTGTTTCTTAGTGATTTTTTTGGCACTGCAATCATGTACTCTGTATATA
TAAACCCAAATCAAGTTTTCTCCGGGATGGAACAGTGTCTAGGTGACATTATCAATTGAAGCTAAATGCTTGTA
GGAAGTTTCTTGACAATGAACAGTAGGCCTGTAATGCAATTATGCTATCATGTTATTTTCATCCTTGTTAAGC
TTTAAGGCTTGATTATTTGACGGGTATTAATCTTATGTATAATGCATACGGATATATAATATCTTGGGGTAT
TTAATTTTCAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12651EU737109|Eucalyptus grandis myo-inositol oxygenase (MIOX) mRNA, complete cds

ACACCATATCTATTTCTTTCATTTCGTTTCATTTCATTTCATTTTGTCTTCCCTAACACTAACGCACCATG
ACGATCCTTATCGAACAGCCTCACTTCGAAGTGGAAGATGAGAAGAAGGTTGGGATGACAGAGTTGAAGGA
ATTGGTGTTAGACGGGGGATTGTGGTACCAAATGCGAGGACGACGGAGGGATTTCGCAGCACCGAAAATGA
ATGCATTGGGCATTTCGTTTAGAGATTACGAAGCGGAAAAGTGAGAGACAAAAGGGGGTTGAGGAATTCTATA
GGAAGAATCACATTCATCAACTTATGAATTTGTGACGAAGATGAGAGAAGAGTATAAGAAAATGGATAGAG
TGGAATGAGCATATGGAATGTTGTGAGCTTTTGAACGACGTCGTGGATGATAGCGATCCCGATTGGATG
AACCACAAATTCAGCATTTGTTGCAAACTGCTGAAGCAATTAGGAAAGATTATCCTGATGAAGATTGGTTGCA
TTTGAATGCTTTAATCCATGATCTTGAAAAGTGCTTCTTCTCCTAGCTTTGGTGGGCTTCTCAATGGGCTGT
TGTGGGAGATACACACCCTGTTGGATGTGCTTTAGATGAATCCATTGTCCACCACAAGTATTTCAAGGAGAAT
CCAGATTGGGAGAATCCAATGATAGTACCAAAAATGGAATTTACTCTGACGGCTGTGGAATCAATAATGTCA
TGATTTTCATGGGGCCATGATGACCATATGTATTTGGTGGATAAAGAGAACGGTTCACCTTACCTTCGGCCGG
ATTGTTTATAATCAGATACCATTTCTTCTATCCTTTACATAGAGCAGGAGCTTATAAACATCTAATGAACGAGG
AAGATGCCCAAATTTGAAGTGGCTTCATATATTCAACAAGTATGATCTCT

>trans_s_12652NM_001050279|Oryza sativa Japonica Group Os01g0653800 (Os01g0653800)
mRNA, complete cds

CTGCGATTAGCAAATCATGGCGAGTTGACACGACTAAGTGGATTGGTAAACAATTTGATCTCAGTCGGTTTCAG
GACGCGAAGCAGCATTTGCAGCAGCAGTTTTGGGAGACAATGCTCTCATGGAAAAAGCATGGCAAGACACTG
GAATGCTTGCGGAAGCAGAGCTTCATGCTCATGCTCATGGGCGACCGACATTGAAAAGCTTGGTTGAGTCTTG
GAACAAGATGCTACAAAAGGAAATGGAGCATACTTCATCAGAAAAGACGGACGCTACAGCTGCATTTTTTGC
ATCCCTGGAGGAACCGAAACTCACAAGCTTGGCAGATGCAGGCAAGAAGCCTCCAATCGAAATCCTTCCTCCT
GGAATGCCAACTCTTTCATCTTCCATTCTTGGTCCAAAGAAGCCTGCTCCTGGAGCACAAGGTGCTCTGCAACA
ACCGGCCAAGCAATTAATGTTGGAGGCACCACCTGCTAATCCACAACCACCACCAGACGGTACACCGACACAA
TCAGAACCAAATGAACAGACTGCGGATGGTAATGCCCAAATTCACAACAGCTACTGACACGTCTCCGACTA
CTCCAGCAGAAAATGTTCTCACTTCAAATGGTTTCAGAGCCATCGGATACTCAATTAGCATCCTCCAACACA
ACACCGGTAGAGACTCAAATACCAACACCATCCGGAAATGATACCACACATCCAGAGGCTGTAATAGAGTCGC
CTGAAGTTAAGAATTCCTCTGTTCCGATTTTCATATTTACAGATGATGCACCACCACCATCAGAGGCCCCATCC
GAGGTACCTGAGCTTCAGAATACCTCTCTTCCAAATGTATCACAATTTGAAATCCAGCTATAGTCGAGTATAG
AAGGTGAGGTTGATTTTGGTACCAGCTGTTGCCCGCTCTTGACCGAGCG

>trans_s_12653FJ694015|Dimocarpus longan YAB2-2 mRNA, complete cds

ACTTCTTTCTTCAAAAAAAGAAAAAAGAAGAAAAAGAAAGAGCATCTTTCTTATTTCTCTCTATTTCTC
TCTTTCTATCTAACCCATTTCTTTCTTTTCCCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCACAAAA
ACAGAAATTTAGAAAAGGATTATAAATCAAAGCAAAATGTCACTGGACATGATGGCTTCAGAACGTGTTTGTTA
TGTTCACTGCAACTTCTGCAACACCATTTTAGCGGTAAGTGTCCATGCAACAGCATGTTACATTGGTGACTG
TGAGATGTGGCCATTGTTCAAATCTGCTTTCTGTAAACATGGGAGCTTCTTCAAGTTGTTCTCTCTCAAGATT

CTCAACAGGGTCATAAACAACAGCAGGTGAATGCTGGGGATTGAGTAAGGACAGAGCTTCTTCTTCTTCTC
TGCTAAATCCACCAAAATTGGTTCTTTGATTCTTCTGCAGAACGTGACCAACATAGAATCCCTCCTATTACCCC
ACCAGAGAAAAGACAGCGTGTTCCATCGGCTTATAATAGGTTCATAAAAGAGGAAATCCAAAGGATTAAGGC
TAAAAATCCTGACATAAGCCATAGAGAAGCCTTCAGCACAGCAGCTAAAAATTGGGCACATTTTCTCACATCC
ACTTTGGGCTGAAATTGGATGGAAATAATAAGCAAACAAAATAAGTTTGAATTTGACAAGAAATCATCATAGT
CCATCTCAAATCTCCAATGAGTTTCTGCCATCTTTTAATTCAAGAGATGATGACGTGTCAATAGATCATAAAAT
ACTAAATAAAACACCCCCCCCCCTTTTTTTTATTAATAAAGATTAATTGATGTGTATTAATTTAGAATGCTAT
TAGTATATTCCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12654NM_104483|Arabidopsis thaliana GTP-binding protein-related (AT1G56050) mRNA,
complete cds

AATGTACACCTTTCAATTTCAATTTCAATTTATCGATTTTCCGGCGATAACTATTTGCTCCATCGCCACCGGATTCT
CATAGCTGCAACTGGTGGCGGCAGCCATGGCCAGAACAGTTTGCTCTCACATTATCCCTCTCTTCTTCTCCCTT
CAAAGTCATCCTTCTTCGAACTCACTCTCTTCTCCAGACCTTCTCATTTCGACCATGTTATGGTGCTTGGCC
GACGCTTCTTCTTCTCATCCAAGATCAGCATGAGCCTCAGAGCCGGTATTGTTGGCCTCCCTAATGTTGGAAAA
TCCACTCTCTTCAATGCTGTCGTTGAAAATGGGAAGGCTCAAGCTGCCAACTTCCCTTTCTGTACAATAGAGCC
AAATGTAGGAGTAGTTGCAGTTCCAGATCCCCGTCTCCATAAACTTTCTGATCTCAGTAAGTCTCAACGAGCGG
TCGCAGCATCAATAGAGTTTGTAGACATTGCTGGGTAGTGAAAGGAGCCAGTCAAGGAGAGGGACTCGGA
AATAAATTTTTATCCCATATTCGTGAGGTGGACTCAATACTTCAGGTTGTGCGTTGTTTTGAGGACAATGACAT
TGTTTCATGTGAATGGGAAAATTGATCCAAAACTGATATTGATGTGATTAACCTTAGAGCTTGATTATCAGATC
TTGACCAGATTGAGAAAAGATTAGAGAAGCTCAAGAAAGGCAAGGCAAGGATTCTCAGTCTAAAGTCAAGG
AAGAAGCAGAGAAGTCTGCATTGAAAAGATTCAGAAGGTCCTTTTGGATGGAAAACCAGCACGATCAGTTA
CTTTAACAGATTTGAAAAGGATGCTATAAAGCATCTTGCCTGCTTACNATGAAACCGGTCATATATGTTGCC
AATGGTGCAGAATCTGATCTAGGCGAGCCTGCAAGTAATCCT

>trans_s_12655NM_102918|Arabidopsis thaliana NFD3 (NUCLEAR FUSION DEFECTIVE 3); structural
constituent of ribosome (NFD3) mRNA, complete cds

ATAGGGTTTTCTTTTCCCCACTTCTTCTTATTCCCAATAATCAACCGCCTGCGCCCCCTCCACGACGATGCCGAA
ACTTTCCCTCTCTCACCTCTCCCCTCTCTTCCGCTCATCCTCTCTCTCTCGTTCCCCTTCTTTTCTCCCTCTCGCT
CTCCATTTACCATTCATTGGCTCAGATGCTCCTTCAGCTTCTCCTCCCCCTCCCTTCACATCTCACTGGATCC
CTTCAACCACACAACCACTTCTCAGGCTCTGTTGGTCGAGAGATTGTAGGACGTGGTTGGAAAGCCATGGGAG
TTCAGGGTCCTAGTTGGGGTTTGGCGCGTTCAACTGAAAGTGTCTCCGTTCTTATTCTATTAGCTCTAGATGT
TATGGAGAGTACGACAACCGCCCTAATCCTCCAGATACAGGAAGGAATCTTAAGACTTTGAACTTCGTTAGGG
GAATTTTAGAGGAAGATGAAAAGGTTTTTTTCGGATGTTCTCAGTACCTTAGGCCAACCAATATGGAACACAA
TGCTGATATTGTTTCATATAAAGCTGATGCGTAACAATGCATTTGTTACTGTTACGGATAACAAGGGAAATACG
AAGCTCAAGGCCTCTGCTGGTCGTCTTGAAGAACTGAAAGGAGGGGGGGCTAAACTGTCTCGTTATTCTGGT
GATTCAATTGCAGAGTATGTTGATCGTGAATCTAGAAAATTGGGGCTAAAATCAGTTGTGATGAGGGTGAAA
GGCTTTACCTTTTTTAAGAAGAAAAAGCAAGCCATCTTGAGTTGGAGAGATGGATTTACTGATTCTAGAAGTG
ATCAAAATCCGATTGTTTACATTGAAGATACGACAAGACGTGCACACAATGGTTGCCGACTCCCAAAGAAACG
CCGTGTGTAGATTTATGGTGCTAGATCTTGCAA

>trans_s_12656M64736|Ricinus communis ATP:pyruvate phosphotransferase (PK-p-alpha) mRNA,
complete cds

AAGTACAAAAGGTTTAAAGCCGTTTTGGGCCGTCGATCTTCCGGCGACAATTCCGAAGCTGTTCTCTCCTTCGGC
ATCTCCGTCTCTCTCCCTGCATTAATCACCGATCCCCGTTTCCGAAATTCCTCCATTCCCTTTCTCCAAATTCCTCC
ATTTCCCTTTACAATGACACAATCTCTCCAACCTTTCACTTCCTCCGCCATTTCTCTCCCCAAACACTCCATCTCTA
AACCTTCTCTTCCACTGCCGCTTTCGCTTTCCTTTCTCCTTCTCCAAATCCTCAATTAGAGCTTCTTCTTCGGAT
CTCAATCCTCTCTCATCTTCTTCCACTTCCCAAGTCTTGGTTTCTGAAAATGGCTCCAGTTCGGTGGTGGGGTT
GTGTCCTCTTCTGCTACTAGGGAGTTTGTGTCTGCTGCCTCTGATTCCACCTCGATTGATGTTGATGCTGTCACT
GAGGCTGAGTTGAAGGAGAATGGGTTCAGGAGTACCAGGAGGACTAAGCTCGTGTGCACCATTGGCCCTGCT
AGTTGTGGATTCAACAGCTCGAGGCACTCGCTGTTGGTGGTATGAATGTCGCTAGGATCAATATGTGCCATG
GGACTCGAGACTGGCATCGGACCGTTATTGAACGTGTGCGGAGGCTCAATGATGAGAAGGGTTATGCTGTTG
CTATCATGATGGATACCGAAGGGAGTGAAATTCACATGGGTGATCTTGGTGGAGCTTCCTCGGCTAAAGCGG
AAGATGGTGAAATTTGGACATTCAGTGTGAGAGCTTTTGATTCAACCCTCCGAGAACGCACCATTAAATGTGAA
CTATGAAGGGTTTGCAGAAGATGTGAGAGTGGGTGATGACCTTCTTGTTGATGGTGGAATGGTGAGGTTTGA
GGTAATCGAAAAAATTGGT

>trans_s_12657XM_002298320|Populus trichocarpa glycoside hydrolase, mRNA

TCGCTACCTCCGACAAGAATCTTATAGCGCATTTGCTTCCTGCTATGAAGGCTATTCATTCCGGCTCTCATGCTCG
CGAATATATCTGATGTTAAGGTCTCGACCCCTCATTCGTTGGGCATTTTGTCCGCCTCGGAGCCGCCGAGTGCC
GGGCGGTTCCGGCGTGGGTACGACCGGGCCATTTTCGCTCCAATCCTCGATTTTCATAATCAAACAAAGACGC
CGTTCATGGTAAACCCATACCCGTTTTTGGTTTCAGACCGGCGACGTTGGACTACGCATTGTTCAAGCCCAAC
GCCGGAGTTTTCGACAACGCAACCGGTAAGCATTACACGAACATGTTTCGACGCGCAGTTAGACGCGGTTCACT
CAGCGATGAAGAAGGTGCGCTTCGGAGATGTTGACATCGTGGTAGCAGAGACCGGATGGCCCTCCGCCGGC
GACCCAAATCAACCGGGCGTAAGCATGGAGAACGCCATTTCTACAACCGGAACCTCGTGAAGCATGCAAAC
TCCGGAAGGGAACGCCATTGATGCCGAACAGAACCTTCGAACTTACATCTTTCTCTATTCAACGAGAATCT
CAAACCAACCACTTCCGAGAGAACTACGGCCTCTTCCAACCCGATTTCACTCCGTTTTACGACGTGGGCATCC
TCCGAAATCCACCGACTATGGGGCCACATCGCCAGTGGGAGAACCAAAGCCGTCGGATGAGGGGAGGAGA
ATGGTGCGTGCCGAAAACGGACGCATCAGATGAAGCGTTGCAGAAGAATATTGATTACGTGTGTAGTAGTGG
AGTTGACTGTGGGGCCATACAAGAAGGTGGGGCATGCTACGATCCCAATACAGTGCGATCACATGCATCGTA
CGCTATGAACGCTTATTTTCAAACCGCTGGTTCG

>trans_s_12658BT012098|Arabidopsis thaliana At3g22680 mRNA sequence

ATCCATTGCGCTCTTTGTTTATGTAGAAAATCCACTCAGTTTACAATGTTCACTGTTTCTTCTTGTCAAATAATCA
AAACCCATCTTCTTCTTTCTTCTTATCGTCCTTCGTTGAATCACATAATTTACAAAATGAAGAGGCCAATGCCC
TGGAATGAACAAGTAGATGTTATATCATCAGGTGAATCTTCTTCTCTGATTGAGAAGCAGCAGTACAAAATG
ATGGATATGAGTTCAAGCCTTCCCTAGACGATTTCAAATCCCTGCCAAAGAAATGACATCTGAAGGTATGTT
GATGAAAAGGGCGGAAATGTATCAAGAATACATGAAACAGATCCAAATCCCAGCACAACTGGTGTCTGTGAT
ACCATTTACAACCTGGATGGGTTTAGGCAAATCTATAAAGCAACTTTATGGCCAACCTTTGCATTACATGACTA
ACATTCTACTCAAACAATGGGATCAATTACGTTTAGGAAGTGCAGATGAATATAAGCCATTGGATACTGTAAT
TCATCCGAGTAAAGCTGAAGCAACTGTATGGCTGGTTGAAGAGATTCATAGGCGCACCTCATCACATCATCAT
GTTGCTAAACTCTGGTTATCAGACCCGATGCACGAAGCGTACGTTGACTCCATTTTCCCCAACTATGAAGGCT
GCTTTCAGTTTTGTTCTGCTCTGTGTTGATATTATAACATTTTCTAGAAGGCTAACATGTGAGTGACAATGTGAA
TTGTAATAGAAACAGCATACTTCTTTCGTCACACTGCACTTCACTATGAAGAAGCTCGAGCATTGCTTCTTCTGT
CCATTGTTGCCATCTGTCTGGTCACTAGTTGACTGCATTTACTTTTGTAGCAAAGAAACAATGTAAATCAATATT
TGGAGATGCATATTTATCTT

>trans_s_12659BT003118|Arabidopsis thaliana At3g59650 mRNA, complete cds

GCCTTCTTTCATATAACCAACCCCCGCCCTGCACGCATTTCTGCCCCGCCGCGTTTCAGCCTGCCGGCGAAAT
CGCCGCCACCCCTTATCGCACTCTCTCGCCACTTTGAGGAATCAAAGCTACTTATCGCTATTTATTTTTCTCCTC
AGGAACACAGTGGTCTAGCCCCCTACCCCTCGCCGTTGAATATGGCTTTGCGAGGTGTTGGCAGCTTAAGAAG
TTGGTTGTCAGCTACTGTGATTGGGGAGGAAGCAGCAGGGGCATCAGGGCATTATGGAGTCGCAGATGCCA
GCTTTTAAGGAGAAAAATCCTCAGCTAGAAGTAGTTACTGAGCTCAATCGTGGCCAGCATCCATACTTGAAGG
GCTTCTACAAAAGCAATAACAACCGGGTAGTATGTGTGAAGAACATGGATCCAGAAGAAATTCATTCATGTGC
AACGAGGCTAAGGAATTCAGTGGGACGAAAGGTCGTAAACTGAGAACAAGACATGTAATAAAAAATCCCAG
TGTGCAAGGTACCTGGAACACAGATGTAAGATTTTGAGGGCTGGATGGATAATTTAATTCTCTGAAGAGCT
TGATATCATTTAGAGAATGTTCTTTCCATCAATAATAAGATGTTGAAACCAAACCTATTTATAGAATTGCTTGAG
TTTTTGTTGTTGTAGTGAGTCCTTATGTAACCTTTGAGGTAGTTATTATTTCCCGGTTCTCTGAATACTTTCTG
GAAAGTTTCGAAAAAACATGAGTTCGTCTTGAAGAATGTCTGAAACGGAATGGGGTTCTAATTTGAGTTG
GTAACCTCTAATTCTAAACACTCAAAGCTGCCACAAGAATTTGAATGATTCATCANGCGATCCAAGATTACAG
TTTTGTAGTTCTTGATTGAACTT

>trans_s_12660AJ844022 | *Plantago major* mRNA for thioredoxin 2 (trx2 gene)

CTCCCCCACCTTTTTTTTTCCCTAACTTTTATTCAGCTCGAAGAAACCTCCATTTATTCTTTCTTTTTCATTTCC
CCTGTTCCATACTTTTCTTTTATTGCTCTTTTCTCCACTTTTGGTTGAAACTGAACCACTACAGGTGGGTTTT
GATTCTGCTTCAACAGAGATTGATTTTGACGCCATTCTTTTCTGGGGTTCTATTTTATGCTGTAACTCTGAAG
GGCCGTTTGATTAATTCATTTCTCTCCACCATGGCTTGTTGTTGAAATCTGCCCTCTCTGTTTCAGGGCTTAA
GGACAATTTGGGTTGCTCTATTTATCTGCGGATTCTGGGTTTTCTACTTCTATTTCTGCTTCCAATTTAAAAGG
GTCTAAGCAGCCAGGGTTTCTGTTTTGAAAGTCGATTTCTGGGGACACCTGTAGTGATTTCGGATCAAAAT
GGTGTTACGAACTCAAACCCTAAAACCCCAAATCGCTTTACCATTAATGCACAGACGTCTATTTGTATAAGCCG
AGCTCGGAGATGGTGGGAAAAAGCTTCAAACCTAATATGGTGGAGATCCACTCTGCCAAGACCTTGTTGGA
TGCATTGCTTGATGCTGGCGATAGATTGGCCATTATAGACTTCTATTCTCCTGGCTGTGGAGGTTGCAAAGCTC
TTCATCCTAAGATCTGTCAACTGGCTGAATTGAACCCTGATGCAATTTTTCTCAAAGTTAACTTTGAGGAGCTC
AAAACCATGTGCCAAGCTCTTCATGTTTCGTGTTCTTCTTTCTTTAGATTCTATAGAGGTGGAGAAGGTCGTGT
TTGTAGCTTTAGCTGTACAAATGCAACTATTAAGAAATTCAGGATGCATTGGCAAAACATGGAACCGACCGG
TGTAGCATCCTTCCA

>trans_s_12661NM_001050861 | *Oryza sativa Japonica Group* Os01g0762300 (Os01g0762300)
mRNA, complete cds

CGAACTGGATTGAAAACCCATCCACTCGAATCACTACCTTCTCTATTTCCCTCATTCTCTCTTCCTTCATCCTTCT
CCAATCCAATCATGGAAGCATTAATTTCCAACCCTCTTATTACCCATCCCACTCTTCGTCGTTCCAAACCGCGCT
CGAATTCGATGCATAATCGAAGACGAACACCCGCGTTTGCCGCCATTGACGGTGCTTTCGCTTGACAGCTGA
CTCCACTCAGGTTGAAATCACATGGCAAATTTTCGTTGGAGCGATTGCTGGAGTGACGCCATTTGTGGTGACC
GGAATCGAATTCAGCAAGAGAATTATGGCGCAAAGAGATGTAAAGAATGCGGTGGTTCTGGGCTTGTTCTT
AGAGATGATGACTACTTTCGTTGCCCCGACTGTGGTGGTTTTTTGCCATGGCAGTCATGGAGGCGATTCTTTT
GGGGATAAAGAAGACACTTAACAAGATATGTCTCTTTGAAGCTGTATTAATTACACTCATATTTCAAAGAAA
GTGGTTCAGGATTTTCTCGTTGATTTCCAAGCAAGACGAGGAACAAAGGATCTGATCTTATCCGTTTCATTAAG
TGTATGCATTTGAGGTTAGAGCTAATTACAAGTTCACCACGTTTCTCATCAAATTACAAGCTCAATCAAGTATTC
AAATGTTGCTAAATGATTGTTTACGAGGTTACATTTCTAGCATGTCGTTCTTGAAATGTCATTTTCTCTACATA
GTTAATAACATGTATAAAAGATTTAATATTTTTTAACCTATCAACTTTAGTTTTTAAGTCTGGTACTGGTTTATTT
ATACAATAAAGCTAGGCATTTCTCCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12662Z73955|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB11G

AAAGAGGATGATGAAAGGAGAGCATTAGCACTACATGCGCAGCTTGTCTCTCTGCCAGCTTTGCTTCTTCAAT
CTTCATCCATTCTCCATTTCTCCATTATTGCTTCCATTCTTCTTCTCTTTTCTTCTCTCTTCTCTCTACCCA
ACTTTCTTTCCCATCTTCCATTTCCACATTCTTTCATTCTCAATTTGAATTTTCGCCAATGTCATCCTCCGACGA
CGAAGGCGGTGAGGAGTATCTCTCAAGATCGTTATCATCGGAGACTCTGCCGTCGGTAAGTCCAATTTACTC
TCTCGTTATGCTAGAAACGAGTTCATCTCCACTCCAAAGCCACCATCGGCGTCAATTTCAAACCTCAGGTTAT
GGATATTGACGGCAAAGAGGTTAAGGCTCAGATTTGGGATACTGCCGGCCAGGAAAGGTTCCGTGCTGTTAC
CTCTGCCTATTACCGTGGTGCTGTTGGTGCTTATCGTTTACGATATCAGCCGTCGCTCCACTTTGATAGTGT
CGGCCGATGGCTCGACGAGCTCAAGACTCATTCCGATACAACCTGTAGCAATGATGCTAGTCGGGAACAAATG
CGATTTGGAGAACATTAGGGATGTAACGTGCGAGGAAGGCACGAGTCTTGCAAGCCGAAGGGTTGTTCTT
CATGGAGACATCTGCTCTAGACTCAACAAATGTTAAAAGGGCTTTCGAAATTGTGATCCGAGAAATATACAAC
AATGTGAGCAGGAAGGTCCTGAATTCAGATACGTACAAAGCAGAATTATCCGTGAACCGGGTGAGCCTCGTC
AACAACGGTGGATCGAAACAATCAGAAGGATACTTATCTTGCTGTTCCAGGTGAATATCTTTCATCTTTCATCT
TTCATCTCTTAACTTCACAAA

>trans_s_12663XM_002871590|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heavy-metal-associated domain-
containing protein, mRNA

AAAGAATTGAAGGGGGGAGTGAGTGTAGCGGATAAGCAGAGGATAGGAATCCCAAATTCACAAACACAAA
ACACAATCAAACCGTCGAGGAAAATGGCTTCAATCTCCACCTTCCCCGCCCTTCACCTTCCATTTCCAAATTCAT
CCCCCGTTCCAGGCGTTCCTTCTCTCTTCTTCTTCCACTAACTTACTCTCTCTGCCGCCTCTTCAGACATTCT
CCGGTTCAGGGCCGGAGCCTGCCACGCTTCTGAAACAAGTCAGGGCAGTTGAAGAGGATGCCTCTGTTCCC
GAGCTAGGAGTTGAAACCGAAGCGTCGTCGCCTTCTCCATCTGACCCGCCTGCCGTCACCGTGCCCGTCTCCCC
CTCTGATGTTCTCACCATGTTCTTTCAGGCAGAGGGGACGCTAAATGAATCAGCTATTCTTCTGTAACCTGAGG
CTTTGGAGCAAACGGAGGGTATCACCGGGTTGAAAGTCCAAGTCAATGAGGGCATTGCATCAGTTGTGCTTA
CAAAACAAACAACAATACAATCTACAGGAGTGGCCTCGAGTTTGATCGAGACCATTCAAGGTGCAGGTTTTAA
GTTACAAACGTTGAATTTGAGTTTTGAGGATGAGGAAGAAGTTTTTGTAGGTACTCTTGATTTTGAAGTGTA
AGAATTGGAGAGAGGGGAAAGAGAGAAAATTATGGAGATAGATAAGATAAGGAAAGCTTAACTAAGAGCTTC
ATTAATCATTTTCATGGAAGATAGGACAATGCAGATGGTGAAAACCTATCATTACCAAAATGCCCTCAAAGTGC
TTAAATGTATCAGGTTTGATGAGATTAACCGTTTGCCATTGCTTGATTTTGTGTATGAAAAAAAAAATAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12664NM_127541|Arabidopsis thaliana SNF7.2 (SNF7.2) mRNA, complete cds

ATCCTAACGCTAAACCAACACGCCTAAGCAAAGCCGAATCCTATTCGCCTCTCAATCAGATCTGTTCTTAATTCT
TACTCTCCATTTCTTCACATCAAATTCCTCTTCGATTTGCGATCATCGCTTCTCAGTTCGAAGCTCGGTTTGAAT
CGTACATAATCCACCATGTCCATGCTCAATAAGCTTTTTGGTAAACCTAAACAGGAGTCTAATGCCCTGGCCAC
GCTTGATAAATTAAACGAGACACTGGAAATGCTGGAGAAGAAGGAGAAAGTACTTCTGAAAAAGGCTTCCAC
AGAAGTTGAGAAGGCCAAAGACTATACCAGAGCAAAGAACAAAAGGGCTGCTATACAATGTTTGAAGAGGA
AGAGGCTATATGAACAACAGATAGAGCAGCTCGGCAACTTCCAATTGCGGATTCATGATCAGATGATATTACT
AGAAGGTGCAAAAGCCACAACCTGAGACTGTAGATGCATTGAGGACCGGGGCAGCTGCAATGAAAGCAATGC
AGAAAGCAACGAACATCGATGATGTGGACAAAACAATGGATGAGATCAATGAACAAACCGAGAACATGAAA
CAGATTCAAGAAGCACTATCAAATCCAATTGGTGCTGCAGCCGATTTTGATGAGGATGAACTGGAAGCAGAA
CTTGAAGAGCTAGAAGGTGCCGAGTTGGAAGAACAACCTTCTCAACCGGCAACAACAGCTCCTGCTGCCCCAA
TTCCAGTCCCTGCAGGTGCACAACTGCTCGACCTGCTCCTCAGAAACGAACCTGCTGAAGAAGATGAGCTGGC

>trans_s_12665GQ377441|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription factor 21 mRNA, complete cds

>trans_s_12666NM_130083|Arabidopsis thaliana GOS12 (GOLGI SNARE 12); SNARE binding (GOS12)
mRNA, complete cds

>trans_s_12667GU985590|Helianthus annuus isolate Ann1238 sleepy 1 mRNA, complete cds

AATTCCATCCTTATTAACCTCACCCACTATGGTTTCTCTCAATTTTTCATTTCTTTTCACTAAAACCGGATTTTG
CGATTTGTTTTGTGATGAAGCGAGTCGTTTCAGATGGGGTTGGGGATCGGAAGATGGGGAAGAAACCTAAG
GCGGAAACCCAAGATTTTACCCGTGGAGGAGGAGGAGGAGGAGAAGACTGCTCCGACAAGACCGGATTAT
GAATTTGGATGATAATTTGTTGTTTGAGGTTTTTAAACATGTGGATGCTAGGACTTTGGCTATGGCGGCGTGT
GTGAGCAAGCAATGGCATAAAACCGCCGAAGATGAGCGGCTTTGGGAGCTGATCTGCACCAGACACTGGGCT
AACACCGGCTGCGGCAACCAACAACCTCCGATCTGTAGTTCTCGCCCTCGGTGGCTTCCGTGCACTTCACTCCCT
CTTCATCTGGCCTCTTACCAAGCCCCAATCCTCATCCTCCTCCTTCTCCTCCTCACCTTCTCCACATCTTCAT
CCGCATCCTCTTCTCATCGGCATCTTGGTCTCCGTTTCCGGCAATGATTGGATCGAAACCGCCGGCCCGGTGG

GGGAAAGATGAGGTCCATCTCTCACTTTCCCTTCTCTCAATTCGTTACTACGAGAAGATGAATTCAGCAACAG
AGGCAGATGAGTGGCTTGGCTTCCATATTCAGTCCATTTAACCATTTTCCTTCAAATTTGGCAATTGAAATTC
CCTTCAATGTGTTTTGGATTGATCTGGGGGTGTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTCTTTTCTTCTCTTTCCTTTTG
TTTAATTAGATCTGTATCTGATTTGGGTGTGTACTTTATAAAACAACATAAATTAATCAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12668AF262939|*Pisum sativum* chloroplast protein import component Toc159 mRNA,
complete cds

CTGGCGAGGCCGGTCTTGGACACCCATGGTTGGGACCATGACTGTGGATATGATGGTGTGAATCTTGAACAC
AGTATGGCCATTATTAATCGGTTTCCTGCTGCTGTTGCCGTTCAAATTACAAAGGACAAAAAAATTCATAT
CCACTTGGATTCTCAGTTTCTGTCAAGCATGGAGAAAATGGTTCTACTATGGCAGGTTTTGACATTCAAAATA
TTGGTAGGCAGCTTGCCTACATCCTTAGAGGAGAGACGAAATTCAAAATTCAGAAAGAACAAGACAGCTG
CTGGGGTATCAGTGACATTCTTGGGAGAGAATGTGTGCCCAGGACTTAACTCGAGGATCAGATTACACTAG
GGAAGCGAGTTGTAGTGGTTGGTAGCACTGGCACTGTTGATCTCAGAATGATACTGCATTTGGTGCCAATCT
GGAAATACGGCTAAGGGAGGCAGACTTCCCAATTGGACAAGATCAATCATCACTTGGTTTATCTCTTGTA
TGGAGAGGAGACACAGCTTTGGGGGCGAACTTTCAGTCACAGTTTTAGTTGGACGAAGTTACAAAATGGCG
GTGCGTGACGAATCAACAACAACTAAGTGGGAGATCTCTGTGACAACAAGCAGTTCTGACCAACTTCAG
ATTGCTCTTATTGCTCTCCTTCCAGTTGCCAGGGCTATTTACAACAGCCTACGTCCTGGAGTTGCTGAAAATTAT
TCAACCTATTAGTTATGTTTCATTTTATATTTCTTCTGTTCACTCTGTCGGCATTGCACCCCATAGGTTATAA
ATTGAGCACTTTCTGTTTCAATATTTTCTGAATAAGTAAGATTCTACTGAACTATGAATTTGAATCTTGCCTT
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12669NM_116220|*Arabidopsis thaliana* plastid-lipid associated protein PAP / fibrillin
family protein (AT4G00030) mRNA, complete cds

ATGGAAATTGCATCTGTTCTTCTTTACTTCTACAATCTCACCCATGGCCAAATCCCTCTCCCTTCCATCTCTCCC
CTTCATTTCCCTTCTTCCATTACAACCCATCTCTCACATCTCCCCAAAATATCTTGCTCTTCCATTTCTATTCAAT
CTCAATCAGCTAAACACCAGCTTCTCACTCTCATATCTGACCAAGAAAGAGGTCTCAAGACCCAGAAAAATCCC
CAGAACTTGCTTCAATTGTGAAATCAATCGACGACTTGGCTTCTCTTGCCGTAATTCTGTCACTACCGACGA
TTCATTTCTGCGACATGGCGTCTTCTGTGGACTACTGAGAAAGAGCAGCTGTTTCATCATTGAGAAGGCTCACT
TGTTTGGTACTCAAGCTGGGGACGTTTTGCAGGTTATTGATGTTGAGAAAAAGAGTCTCAACAATGTTATCAC
TTTTCTCCAGATGGGGTTTTCTTTGTTGCGTCCAACATTGAAGTTGCTTCTCTCAGAGAGTGAATTTAGATT
TACAAGTGCTGTTCTGCGAGGAAAAAAGTGGGAGATTCCGTTACCACCATTTGGACAGGGTTGGTTTGACACA
GTATACCTCGATGACGAGAACCGGGTGTAAAAGATATCCGAGGTGATTATTTGATTGTTGAACGTGCTCCCT
ACAGTTGGACAGAATGAAAGCTGAATCTTAAGTTTTCAATGCTGCTGTACAAAAATGATGTAGTTGATCATAG
TTGTATTACTCATCTAATGTTTCTCCCAAGTAGATTCATCCTCATGGTATCTGTGTTCTTATCATGCAAGACATG
CAACAACCTCTCACTGTATATATTTAAGCTTATAAGTATTTCACTTTATGATTTATAAGTAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_12670NM_001052758|*Oryza sativa Japonica Group* Os02g0201000 (Os02g0201000)
mRNA, complete cds

TTAACGACATTAAGTCGTGGTCCAGAGGGTTTCAAAGTCTAACTTAACCTTCAAATAGCTTTCATTCCAGAA
ATGATGCTCAATCAATCATACAACCCCTCTTGCTCCCATATATCCACAAGAAAATCAACCATTTACCAAGTGGT
ATAGGCTGTGGGAACGGCTTGTTATTTCCAACAACTGTCGTATGTTGCACTCCAAGTCAAAGCCAGAACG
ATTTAGGCATGCAGAGACAATGAGTGTGTAATTTGGGTCTCGAATCACTTGTTTTCTGTTGCCAGACTTCCTG

>trans_s_12671GQ377251|Populus trichocarpa zeta class glutathione transferase GSTZ2 mRNA,
complete cds

>trans_s_12672AB206873|Prunus persica mRNA, microsatellite marker M21a

>trans s_12673BT030007|Arabidopsis thaliana At2g26110 gene, complete cds

CTTTTCCCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCAACAACAAATCTCCTTCTCCCATCTC
TCTGCCCTAACTACGCCATGTCGCCGAATCCGTTTCTTCCACTCTCTCCATATGGACTTCCCTCAACAGCTGGT

TCACTCCCACCGTTCTCTTCGTCGTTCTCAACCTCGTGATCGGCACCATTGCTATTGCTTCCAACCTTAGGCGGTT
CTCAAAGACCTAATCAACGCCATCCTTCCGACCCCGACTACCCTCACTATCTCCACAGATCTCCTTCTGTGCTTC
AGAGGTTGAAATCCATGAATCCTTACGCTTAGATCTGAAGAACCGGCTACTGTGTTGAGAAAACCGCCTGG
AATCGACGCTCATTATGCTAATTATGAACATCCCCAACTTGCTCGGTCTCCTTCTATGCTTCAACGCTTTAAGTT
TAGCTTCCCAAGCTACAAACCGGAAGAATCTTTCAATCTCCGCCCTCTGCGACTACCTTCGAGAAAGCGCATG
AAATCGACACTCATTCCGCAAATTATCAACATCCGCAACTGGTTAGATCTCCTTCTGTGCTTCAGCGGCTTAAG
TTTAGTTTCTCGGGCTACAAACCGGAGGAATCATTCCAATCTCCACCGCCAGTAACCTCACGTCGAGAAACCGG
CTGGAGGAGATGCTCATTATTCTAATTCGAACATCCGCAACTGGTTAGATCTCCTTCTATGCTTCAGCGGATC
AAGTTTAACTTCTATGGTCATAATAAAGCGGAAGAGTCTTTCCAATCTCCACCTCCAAGTCTGAGGTTCA
GATCCGTCGGAAGGACGACGAATCGAAACGGATGGGAGATGAGCAAACGGATGGAGATCAGGAACCGACA
ATGGATGAGGTTT

>trans_s_12674NM_112545|Arabidopsis thaliana ATL2; protein binding / zinc ion binding (ATL2)
mRNA, complete cds

ATCTTACATGCCATCGAGTCCGCCGCCCATCTCCGGTGCCTGATTACTCTAGCTGGAGTCCATGGTCAATCT
CGACCATCGTCATCGTATGCGTCATCTTCTACTGTTGAGCAACTATAGACTTTTGAAACAATTGTGCCGTGTC
CTTCATGAAGTGTTCGGTGCACCTGCGGTTCAATTTGAGGAAAACCTAACAATCCTTCACTACAAATCCAT
GCCCATGGACTGGAGACCTCGATGATTCGTTTGCTACCAATATCACAGTTCAAAAAGAAAGAAGAATCTGAAT
CAACGACAAGTTTCAATACGGAATGCGCTGTTTGTTGGGTGAATTCGAAGAAGGGGAATTGATTAATACTT
ACCAAATTGTAATCATTGTTTTCATAGTTCTTGATCGATGCCTGGTTCGTCGATCATTGAGTTGCCCTCTCTG
CAGATTGCAAGTCTGGAGTTTCTCTACTCTGATTCTTCTTCAGCAATGCTGGAAACGCTTGGAAGAGAAAAA
TTCTACGAGAAAGAGTAGCGCATTATCAAACACTTCGTGCTCAAATTCTGCAGCACCTGAATTCAGAAGAGA
TGAATCGATTCAAGGATCAGATCAACGAGACCCAAACCGATGAACAAATCAATAGAGGCCGAGAAGACAGAA
ATTTGTGATGAAGCCGAGATATGGGCGATTTTTCTTCAAGTATTTATTCATCTACCAATGCATCGGTGATCAG
TAAAAATTTATGAATTTTCATATTTTTCTTCGAACTTGAAATGATTGATTATATTCGATAGATAGTTTAAATTGA
GTTATAATTTATGTAATCATACTTAACTTTGTGAAATTTGGGAAATAAATTTGTAATTATTGCAAAACAACACA
AACTAATCTAAATCTT

>trans_s_12675NM_001036980|Arabidopsis thaliana LPA2 (low psii accumulation2) (LPA2) mRNA,
complete cds

AAGGGAACAATAAATTTTGCTAATTCCAATTGAAGCAAACCTTAACCAAATAAACTGAAAATGGCGCTACAA
ATACTCCATCATTCTCCCTCTTCTTACCAAAAAACCTATCATCTTCCCAACCCATCTCTCATTCTCTTCTAA
ACCTAAATTCATCATCAAATCTCAGAACCCGTCTGAATCTGAGAAACCCATTTCCAAAATTGTTGATGATGCTC
CAATTGCGACTTCCTCCAAGCCATATACCTCATCGTCTCAAGGTTTCGGCTCTTCATCGCCTCAATCGACGTCCA
CGAGCAAATCAACTCCAAAGTCTGTGAAGCAGAAGGGTAAGCGTCAAAGGGCATCCATTATTCGGCGCTCTC
CTGTGGAGAAACCGGTGTTTGTTGGAGAAGTTGATGAACAGGTTGCTAAGGAACAGAGCAGGAACGAGAGC
TATTTCTTCTTACTTGTTGGGTCTTGGTGTGATTCTCGTCGAGGGGATTGTGCTTGAGCATCTGGTTTC
TTACCAGAAGAGTGGGACAGGCTCTTCGTCAAATATTTGTACCCTTCCTTCACACCAACCGTCTCTGTTTGTT
GCTGGAAGTGTGCATACGGAGTTTTGAAGTATCTTCAGAATGAGAAAATAAAGATGAAAAATCATAATTTG
ATCCTTTTTGCGATGCTTTGATTTGGTGTGTAGACCTGAAAAATCCCAAGTGCCTATAGATCTTGTTTATATAA
AGTGTCTCATTTCTGAGAACTGAGATGAAATCTTTGAGCTCGAAAGCAAATAAGATGCTGTTGTTGAATC
CTAGGAACTCTTCCCATCATTTATATTTTTGGGCTTTAATTTATCGACAATAATCTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12676AF243367|Glycine max glutathione S-transferase GST 12 mRNA, complete cds

TGATCACAAAAAATTTGAACATTCTTCATACACAAGATTAAGAGATGGCTGAGCAAAACAGAGTGGTGCTTT
ATGGAATGTGGGCTAGCCCTTTTGCTAAGAGAATCCACCTCGCTCTTAAATCAAAGGCATCCCTTTGAATAT
GTGGAAGAAGATCTCCAGAACAAGAGTCCAGATCTTCTCAAATTCATCCTGTTTACAAGAAAGTTCCCGTACT
CGTCCATAATGGAAGATCCATTTGCGAATCAGCTATAATTTTTGAGTACATAGAGGAAGTTTGAACAATAAT
GGCCCTTCTTCTACCTCAAGATCCCTACAAACGAGCCCAGGTTGATTCTGGGCTGATTACGTTTCAGAAACA
GGTGTTTGAGGGATTGTTTTGTAAATGAAAACAGAAGGGGAAGCACAAAGAGAAAGCCATTGAAGATGTGAA
AGAGAAGCTGAAAGTTCTTGAAGAACAGGGGCTGAAGGATTTATTGGCAGAGGGAAGTACATTTGTGAATG
GAGACGAAGTTGGATGTTTGGACATAGTTATGTTGACAGTGCTTGAATGTACAAGGTTTCATGAAGAGTTTTT
TGGAGTGAAAATTGTGGAAGAAGAGAAGATCCCAGTTGTGTTCTCATGGTTGAATAGATTGATTGAACATCCA
CTTGCAAAGGAGGTTGCTCCTCCCAAAGAAAAGGTTTTGGGGTTTCTTCACTTCATTAGACAAAAATTGCTACC
CTCACAGGCTGCTGCTTAACGCTCTTCACATGTGTACTAATAACAATAAATAAACCTTAATTCGTCTCTAAAG
TACTGTATTGTGATTTTACTCCATGGTTTTCACTTTTCAATAATAAAATTTGATATGTTTTCTGCCAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12677AY107464|Zea mays PCO113489 mRNA sequence

TGAAAAAGAGGTGGATACATGGAGGTTACTGGTTTCAGTCCTGAGATAAGGGAACAAATATATAAAGTGGC
ATCGGTGAATCTGTGTTCTAACATTTCCGGCCAGATTCTAGCCAGCCTTGAATGAATCCCCAAAGGTTACTT
TCGTCTCTTTCTGTGATTCTATCTGGCACGTTTTGCATCTCTTCTATTCTTGCATGGAAAGGACAGAATTGGG
AATATGGGAAAATGGAATAAGGTTGGAGATGAATCTTTGAATCATATAGCGCAGAGAAGGATGGAATACTA
TCTTCGCTGGCAAGACGTGCAAAGGCACTGGAAGATGCTCTGAACAGTCTAGAAGGTGTCAAGTGCAACAAA
GCTGAAGGAGCGATGTATCTTTCTCGTATTTACCTGCCCCGGAAGGCAATCAAAGCAGCTGAAGCTGTCA
ATACATCTCTGATACTTTCTATTGCCGTCGCCTCCTTAATGCTACTGGAATTGTCGTTGTGCCAGGTTCTGGTT
TTGGTCAGGTTCCGGGTACATGGCATTTTAGATGCACCATACTACCTCAAGAGGACAAGATTCCAGCTATTGTT
TCACGTTTGACAGAGTTCCACAAACAATTCATGGAAGAGTTCCGCGACTGAGTACCTGCTGCAGAACCCATTTT
TTAAATTATGAGCTCTATTTTTTGATGATCATGATTTTCATTATGAACTTCACTTCCAATTTCTCTCTAAATT
AAATAATAGTGTTAGACTGGTAATTATTTTTTGTACCTCAAAGTTGAAATATAGGGAATGAAGGCCAATC
AAATATTGCTAAGAACTCAAAGAAAGTGACTTCCTATCCCTCCTTCTTGTCTTTCAAGAAACAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12678BT006398|Arabidopsis thaliana At4g30410 gene, complete cds

ACAAACATAAAATCCCATTTCTCCAAACTCTTCAATCTCTCATTATTTTCTCTCTTTTCTCTCTCATTCTTTCTC
GTTGCAACCCTAATTCTTTTCTAAAACCCTAAATTCTTCTTAAATTTCAATTTTCTCTACTATTTTCTTTTGA
TCTTCAAGACATGCCAACCTCAACAAGCTCAAACAACAATTTCTCAAGAATTGGTTGGTAGGTCTACAATCAA
CCACTTCTTCAACCACAAACATGAATTTCTAGACAGAAAGAAAGCCATAAAGATCTCGGCCGACTACGCCAT
GGCTGCAACGAGGAACGGCACGACTATTTGGAGTCAATCCATCATCGCCAAATACCTTAAAGGTCATGCTCCA
CCCGAGGCCATATTGAATCGTCAACGAGTTACATAAATCTTCTAAGGAAGAAGAGGACGATGACACAAGT
CGGAAGATGGGTGCGAAAATCGGCCGAAAATGGCGAGGAGGAGCCGCTTGCCTCTGTCAAAGGCGTTACC
AAGCACGATTGCAAAGAGATTGGTTGAGAAAAGAACTAAAGTTTTGAGGAGTTTGATTCCGGGAGGAGAGTT
TATGAAGGATGAAGCTTTGTTGATTGAAGAAGCCCTAGATTATATACCGTTTCTTCAAGCTCAGGTTGATGGA
ATGCGATTTCTTGCTAATTATTGCAAATGAGAATTCAAAATTCATAAATTACGTACTTCATTACTTTTGAATTTT
TTTTTTTCTAAAGGGCTTGTTAGGGAGAAATATATATAATCACTAATGCAATATTGTACAGCTGAAAAATATAT
GTTTTTTTATATATACATACATGTAAGTGAATTTGATGTTTTAATTTATTTTAGCTTTTTTCAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12679XM_002871356|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata short-chain dehydrogenase/reductase family protein, mRNA

ATCTATGCAGCGGTTAATCTGGAGGAGGGCGTAAGGTTCTTCATTTTTACGAAGATAAAAAGGATATGGA
ATTGCGCCGAAAAGAAGTGGTTGTCATCTCCGGCTGTTCCGACGGAGGCATAGGCCACTCCCTCGCCCTAGCC
TTCGCCGATCAGGGCTGTTTGGTAGTTGCAACCAGCAGGTCCCGCTCCTCAATGGCGGATCTGGAGCACGATC
CCAGGTTTTTCTTACAAGAACTCGATGTCCTGTCCGACCAAAGCGTCGAGCGATTAACTCTCTTGTATCGAA
AAATTCGGTCGAATCGATATTTGGTGAACAACGCTGGCGTTCAATGTATTGGCCCTATTGCCGAGGTTTCATCT
TTCCGCTATGCAGAACGCCTTCAATACCAATGTTTTCGGGACTATGAGATTGATTCAAACCGTGGTTCCTCACA
TGGCATCACGAAGAAAGGGGAAGATTGTGAATTTGGGAAGTGTACCGTATTGGCGCCTCTTCCATGGGCTG
GTGCTTATACCGCATCCAAAGCTGCTATTCATTCCATTTCTGACTGTCTGAGGATGGAGCTCAAGCCCTTTGGA
ATCGACGTTATCAACGTTGTCCAGGAGCCATTAAATCAAACATTGGAACTCTGCCATTGCCGGCTTAATCA
GATGCCCGAGTTGAAGCTATTCAAGCCCTTTGAAGCTGCAATTTTAGCCAGAGCCAATGCCTCGCAAGGCCCT
AAAGCCACCCCTACTGCCGAGTTTGCCAAGAAGACGGTCGCCGCCATTCTTAAAACGAAGCCATCTCCTTGGT
TCTCTTATGGAGGCTATTCCACCCTCATGGCTGGTATGTACCATTTGCCGATCTTCCTCAAGGACTTGATCGTA
GAATTTCTCTCTAAACGGTTTT

>trans_s_12680NM_001062117|Oryza sativa Japonica Group Os05g0421300 (Os05g0421300)
mRNA, complete cds

AAAATCAAACCAAACCAAACACACCTAAATTTGAATTTTCTTTTCCCCCTTGCCTTTCCTCGTTGTTGCTGA
CGATTACTACCTCGTTACTCAGCTTATCACAACCTACAAGCAGCTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTCTTTCTCTTTT
CTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTATTGCTCCGAGTTCGGTTGATTTTCTTGAACCGACTCAGTAATGAGACT
TTAGTTGTTTCCCTTCTGATACTTGAGTAGTTGCTGAGTACGGAGAAAGTTTCTACAGACTGTCCTTATCCGGG
ATGTTTCTTTTGTGTCATGAAAGAAGGAAATCCTAGTAAGCGCAAAGCGAGTATCTTGAAATTCTTAGAGAA
CTTCCTTCTCAAGATGATGATGGTCAAGTTCTCCCCATTAGTGGCCTTTGGAACACAGCAATGGCACATCCTAA
TGATCCTGAATTTATTGAATTGGGGATATTGAATGTATGTCTGCACTTATATGGAAGGGACTGAAAAATCGG
CGCTGGCTTTCTCACGACCAAAACATTTATATTCCATATTATGCTGCACATATCATTGGATCCTACACGATGAAC
ATGGAGGAGTTTGCTGAAACTGCTGTGCATGCTGCGGTGATTCCACCACTAGTTGAACTTCTTAGCGGAAGAT
TAACTTGGGTTGAGCAGAGAGTAGCTGTTCTGTGCCCTTGGTCATCTAGCTACTTATGCAAGTACTTTTCTGCT
GTGGCTAGTCATGCCGAAATACTCGAGCTCTCAATTCACTGGCAATGAGTTCTTGAATTTGTTTATACTCA
CTTTACCAGTATGTGGACAGAAGGCTTAGTTATCATTGTGATCTGCTTACTCGTGGGGATGGGTGGGGGTCTG
AAATGGAAT

>trans_s_12681EU770570|Eucalyptus grandis iron-sulfur cluster scaffold protein ISU1 (ISU1) mRNA,
complete cds

TAGTCTCCCGAATTCGAGGAGAGAAACGAAATCGGTAAATATGTTGAGGTTTCAGTTCGAAGAGGCTTCTAGG
GATTGCGTCTAGGGATTTGCCGTCACCGGCGGTTCAAATCGTTCCGCGGTTCTACCACGAGAGGGTTATTGAT
CACTACAACAACCTCGAAATGTTGGATCGTTTGATAAGAATGATCCGACGGTTGGCACCGGTCTCGTCGGTG
CGCCCGCTGTGGTGATGTTATGAAGCTTCAGATCAAGGTTGATGAGAAGACTGGTAAGGTTGTAGATGCTT
GCTTCAAGACCTTCGGTTGCGGTTCTGCAATTGCTTCCTCGTCGTTCTGCTACAGAAATGGTGAAAGGGAAGCA
AATGGAAGAAGCCTTAACCATAAAAAATTCGGAAATTGCAAAACATCTCTCCCTACCACCTGTTAAGTTGCACT
GCAGCATGCTTGCTGAGGATGCTATCAAGGCTGCTGTAAAGATTATGAAGCCAAGCGTGCAAAATTGGCAA
ATGGTGCTGAATCTTCTCCGTAGAGAAGGCTTCAAATGCTTAGCCATCCAATGATTGTAAATGATGTAAAAAC
TGTTATACTTAATATCTGCTGTCCAAGGTGCGAGTTCTCTGCTCAGTTCTGAATATGGGATGTCAATCATAATTT
ATAATTATCACCATATTTTACTTTATGTTGTGCTTTTATTTTCGATTTCCCCCTTCTGTGATCTGGAAGGAAGTG

TAGTGTTAGACCGTTGGATTCTGGTCTTCAAGCCCACTTTTGGAAAGTTCGATGACACTTCGTTGCCTATTTCAT
ATGGCTGTGTATTTAGCCGGTTCAGATGGCGGTTTTTTTTGTTTTCATCTTCTTAAAGCTGACTTTTGGTAAAAA
AAAATCTGTAGAAGATAAA

>trans_s_12682NM_123935|Arabidopsis thaliana FK506-binding protein 1 (FKBP13) (AT5G45680)
mRNA, complete cds

GATGTGAGGGTGGGAGCTAATCCTCTTTTCTTGATCTTCTCTGAAAGTAGAACTAGCGTTTGTTGGAGATGA
GCTCGCTGACAATTTTGGTCGGGGCTGTCACTCCCAGAACGCTTAGCTCCAAAGACATATCACTAGATAAATG
TCTAACACGAAACAAGTTTCCAAATTTACTTACGTCCATACCCCGAAAATCAATTTTCTCATCAAGAACTGG
AAGCGAAGGAAAACCCAGCTTCTTTTCGGCAGAAGAGAAGCAATTGGTTGTGGATTCTGCTCGGCCTTGGCA
AGGTTCTTCTACAACCACTGCCTGCAGCTGCTGAAGTCACACCATGTGAATTCACAACAGCTCCTTCGGGCCTT
GCATTCTGCGATAAAGTTGTCTGGGTGAGGCCCTGAGGCTGAGAAAGGACAGCTAATCAAGGCACATTATGTT
GGAAAATTAGAGAGCGGAAAGGTGTTTCGACAGCAGCTACAATCGGGGGAAACCGTTAACCTTTTGAATTGG
GGTCGGGGAGGTTATAAAAGGTTGGGATGAAGGTATTCTTGGGGGCGATGGAGTTCCAGCGATGCTTCGGG
GAGGGAAGCGCGTGCTAAAGCTTCCTCCAGAACTCGGGTATGGTGCAAGAGGTGCTGGATGCAGAGGAGGG
TCATGTATCATTCTCCTAACTCTGTTCTTATTTGATGTGGAGTTCATTGGGAAGGCATGACATCAAACACAG
CTTCGACCCGCTTTTCGGATCCATATCCATCCCATATATCTTCTTTCTAATTTATTTACAGTTACTGTCACAATAT
TCTTATAGCTTATACATACTTGCTGCTTTTTCTCGGCCTCCACTTTTGAATTTCTATTGTCAATGTAGTTTTTGCAC
TTCTCAAGTTTCACCTCTCATTT

>trans_s_12683GQ200733|Gossypium hirsutum cultivar Xu-142 cellulose synthase catalytic subunit
(cesA6) mRNA, partial cds

TGCTATTCTTATTTTCATGGCACTCTTCATTTCTATTGCTGCGACCGGTATTCTTGAGATGCAGTGGGGAGGTGT
TGGGATTGACGACTGGTGGAGAAACGAACAATTCTGGGTTATTGGAGGTGTTTCGACACATCTTTTTGCTCTC
TTCCAAGGTCTACTCAAGGATTTAGCTGGTGTAAGTACAACTTCACAGCTACATCCAAAGCAGCCGATGATG
GTGAATTCTCAGAGCTCTATATCTTCAAGTGGACATCGTTGTTAATACCTCCCACGACCTTATTGATCATAAACA
TTGTTGGTGTGATCGTTGGGGTCTCAGATGCCATCAATAATGGGTATGATTCTGGGGCCCTCTTTTCGGAAG
GCTATTTTTCACTCTTTCGAGAGTATCCACCTCTACCCTTCTTGAAGGAGTTGTTAGGGAAACAAGACCGGT
TACCGACGATCATTGTTGTTTGGTCAATTCTTTTAGCCTCAATCTTAACTTTACTCTGGGTAAGAATCAACCCAT
TTGTATCCAAAGACGGTCTGTTTGAAGTTTTCGGGTTGAATTGCGACTAGGAAACACATTGGTCGGAACG
AGACCGGACGGGACGATTATGGCTTTTGCAGGAAATTTGACTAATTTTTGTTGGAAGAAAGTTAATGCAGTAT
GTTGTAGATAGAGAGGGGTTGGGTTAGTTTGTGGTTGAAGGTGAGTAATTGTTATTTGTTCTATAGATTTCTT
TGATTCTTTTATTAATAAATACTCTGGTCTCTGGGTGCTTAATTATAGCCCTTACTAAATTGCTCCTTATTTTTGT
CCCATGAAAAACATGAACCTAATATAATTTATCCCTTGTCAAACTCTTGGGGGATATGTAAATTTGTCTCAT
ACCTCCCCCATTTT

>trans_s_12684XM_002318429|Populus trichocarpa SAUR family protein (SAUR22), mRNA

GGTTCCTCTTTGTTTGTAATATCAATCGTATATGTTGATTAGGGTGAAGACGAAGCTTCAATGACCAATATCCC
TTCCTCCTTCACTCATTCTCTTCACTCTCTTACCCTCGCAATCTTCTTACCATCCTTGGCCTTTTTCTCTTTA
ACATCTACCTTAACTTTCTGCCTTTTCCGATGGGTTTCGGCGGCGACAAGCATCATCAGCACCTCCTGCATCTG
AATTTCCATTTCCACATTCATTTTCTCATTTTACCACCATCGGAACAAGGTGGAGACTCCCAAAGGATGTTTG
GCCATTCTTGTTGGCCAAGAGCAACAGCGGTTTCGTCAATTCCTGTCAATTTATGTCAACCATCCTTATTTGTTTCA
GCTCTGAAGGAGGCCGAGGACGAGTATGGCTTCGATCAGAAAGGACCAATCTCTATTCTTGGCCTGTGACG
ACTTTTCGCACCTTCAGGGCATTATTCACCATGATCACCATCACCACCATCTTCTGTCTCCTGTTTCAGGGATT

CTTCTCATTCCCATTGCTGATATTGATGAAAAACTACGTTAGATTTTAGTTTTAGCTTTTCTTTCTTTTATTATT
GGTTTTCTGATACACATAACCCATTACCAATTCATGCGTTTCCATTGATTTCTGAATTTGGATTTTCTCCTGTAA
TATATTGTCACGGTCAAGTCAACATTGAATGCGGTATCATATATGCTATATGAGCCTTTTTCAGCCATGTTCTTT
CTTATAATTAATGATGTAATCAGAACTATCTGGAATGAATATTTGTTTGTAAAAAAGTGTAAATAG
CTTTTAA

>trans_s_12685XM_002306824|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

AAAATTCAATTCTTTGAACAACCCATTTCTCCCGATTCTTTTCTTTGAAGATTTCTCAACCCCTTCTCAATCG
ATCTCACATTCCAGATTTACCATGTCGTTTGAGGAGGATGATGAGACCTTCGAGCACACTCTCCTTGTTGTT
CGTGAGGTTTCCGTCTACAAAATCCCTCCTCGAACCACATCCGGTGGCTGCAAGTGCAGTGGCTTCAAT
CCGACAAGATCTGGTCCGGCCGCCTTCGTGTTGTGTCCTGTAAGGACCGATGTGAGATCCGATTGGAAGATCC
CAACTCCGGCGAACTTTTGTCTGCTTGTGTTTGTAAATCCGGGTGAGCGGGAAAGCTCCGTAGAGACCGTTCTG
ACTCTTCTCGATACTTCGTTTTGAAGATCGAGGATGGCCGGGGAAAGCACGCTTTTGTAGGGTTAGGTTTTGC
CGAACGAAATGAAGCTTTTGAATTCATGTGGCATTGTCTGACCATGAGAAGTACGTTAGGAGGGATCTTGAG
AAGGATCCGACTAGTGGCGGCAACGGCAGCTGCAGCGGCGCGATGCTAATGAAGAAAGCCAAATTGATAT
CCATCCTGCTGTGAATCACAGATTAAAGGAAGGTGAAACAATTAGGATCAATGTGAAGCATAAACCATCCAGC
GGAAGTGGTATGCTCTCAGCTGCAGGATTGTGAGGTCTGGTAGTGGAAGTCAAAACTCTAACTCTTGCTC
CACCACCAACTGGAGCTAGGAAAATCAGTACTCCTCTCCACCCCTCCAAACGATCCAGCTGCACGGAAAGT
ATCTGCCAGCACGTGCCGTGGTGTGAGTCAATGAAAGAAAAAGGACATGTAAGCAATGCAACCGACCCCTTA
TCAGATCTTCCAACTGAGAGAA

>trans_s_12686DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

AGTGCGATGGTTAACTGTTACGGACTAGCTGTACCTACCGTTTTTTTTTAGGGTCAATATCAGCAATGCAAT
TCATCCAACGATAAACCTAATCCGAATTATAGAGCTATGACACAATCAAATCCGAACGAACAAAATGTTGAATT
GAATCGTACCAGTCTTACTGGGGGTTATTACTCATTTTTGTACTTGCTGTTTTATTTTCCAATTATTTCTTCAAT
TAAATAAAAGAAAATACTAAATAATAGTACGAATTATCTTATCCCATTCGGAAGGATATCATCTCATAATTATC
TATGACTGTTTCTGTCTCTAGCACGACCACTTGATGAAATGGGGAGGGAAGTGGGACAAATGGCCGAGACTA
CTGGAAGGATTCTCTTTGGATAATCGGTACTGTAAGTGGTATTCTTGATCGGTTTAGTTGGTATTTCTTTT
ATGGTTCATATCCGGCTTAGGTTTCATCTCTGTAATAATCGGATGAACTGAGTTGGAGACATGAAAGCGTAAG
AACTCAACAGGATCCCCCTCAAATCAGAGAAAAAGAGGGGGTAGGTCCCGTTGAGCTCTTACTAATTAGAATT
AGACTAATTTATTCATATAAATGAAAAATGGATCTTTCCTATTTTTTCAAAAACTTCATTTCTTTCTGATTCT
GAATTGCTTCAAAAAAATTGATTGAGACCATCTCTTCGCGATCGTATCGGTGATACTTTTCAATTCAAAG
CGAAAAAAGAAAGAGAGAATCACTCGATTCCCTCTTTCTGGATGATACAATCCCAATATAACAATATTATATT
TCTATCGATCAGATATCACAAACCCCTTAAATAGATTAGAATATACTAATAGAATTTTCTATAGTTATTCATCCA
TCCAATGCATTCT

>trans_s_12687NM_121895|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family
protein (AT5G18900) mRNA, complete cds

ATTCAATTTCCATCGAATTTCTCCGATAACTCTCTCTCCCTCTCCCTCTCGCGCGCGCTCTTTCTAGTTTG
ATCCGATCGAGACTATGTTCAAATTCGTAATCTGTTATTCTTCTTCTGATTTGATCTCATCGTTTGTTGCGGA
ATCAACTTGTTCTTATGCTGGTTGCGCTAGCGCAACCGTAGATCCTAGTAGAGTGAAGCAGATTTTCATGGAAA
CCGAGAGCTTTTGTATATGAAGGTTTTCTAACGGACCTAGAATGCGATCATCTGGTTTCTATAGCGAGATCCGA
GCTAAAGAGATCTGAAGTTGCTGATAATGATTGAGGAAAGAGCAAGCTCAGTACTGTACGAACGAGTTCAGG

AATGTTCAATTTCTAAAAACAAGGATCCTATTGTTTCTGGCATAGAGGACAAAATTTCTGCATGGACTTTTCTTCC
AAAAGAAAATGGGGAGGACATTCAGGTATTGAGATATGAGCATGGGCAGAAATATGAGTCGCATTATGATTA
CTTTGTTGACAAGGTGAATATTGCCTGGGGTGGACATCGTTTAGCTACAGTCCTTATGTATCTCTCTAATGTGA
CCAAAGGCGGTGAAACAGTTTTCCCTTTGGCAGAGAAATCTCCCACCGGAGAGCTTATGAAACAGACGAGG
ACCTCTCAGAGTGCGCAAAGAAAGGAATTGCAGTGAAACCAAAGAAAGGCGATGCCCTTCTTTTCTTTAGCCT
TGAACCAAATGCTATACCAGACACAAACAGTCTCCATGGAGGTTGCCCTGTCCTTGAAAGGAGAAAATGGTCA
GCAACAAAGTGGATTACGTAGATTCTTTAGCAAAAACCTTANGAGACATTGGGAATTGTACTGATCTAAATG
AAAGTGGTGAGAGATGGGCC

>trans_s_12688XM_002867470|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata quinone reductase family protein,
mRNA

ATCGTCAACGATTAATCAAAAACAAGAACAACAATAATCTCCAACAACACCTCCAATCACTGCATCAATGGCAA
CCAAAGTGTATATTGTTTACTATTCCATGTACGGACATGTTGAGAACTTGCTGAGGAGATTAAGAAGGGAGC
TCAATCGGTAGAAGGGGTGCAAGCCAAGTTGTGGCAGGTTCTGAAACATTACCCGAGGATGTCCTTGGCAA
GATGAGTGCACCACCCAAAAGTGATGTACCAATAATCACCCCGAGCGAACTCTCCGAGGCCGATGGGTTTGT
TTTGGTTTCCCAACTAGATTCGGTATGATGGCTGCTCAATTCAAAGCATTCTTGATGCAACTGGAGGTCTTGT
GAGAACCCAACAACCTGCAGGCAAGCCTGCCGGTATTTTTTACAGTACCGGATCCCAGGGGGGTGGGCAAGA
AACTACCGCGTTGACTGCCATCACTCAACTAACCCACCATGGAATGATTTTTGTACCCATTGGTTACACTTTTGG
TGCTGGCATGTTGAGATGGAGCAAGTTAAAGTGGAAGTCCTTATGGAGCTGGAACCTTCGCTGGCGATGG
CTCGAGAAAACCATCGACTCTTGAGTTGGAGCAAGCCTTCCACCAAGGAAAGTACCTTGCTACCATCACAAG
AAGCTCAAGGGATCAGCCTAAGCTTAAGTTTACCATACCAAAGTTCCTGTTGAATAATCATTTCCATTTTTTT
TCACCATTGAAATTTCTTTTGTCTGCAATAAATCATTGGATTGTTTTGGTTTTCTATTGTATTATGTTACGTGTG
CCTCACACTCACAATAGTCTTTTTTAATGATATATGCTTGATATTTTAGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12689NM_127530|Arabidopsis thaliana rps15ab (ribosomal protein S15A B); structural
constituent of ribosome (rps15ab) mRNA, complete cds

CCCTCACAAAACATTGCAACAAAATTATATTCTGGGATTTTTGAAAAGTAGCCCTTCAAAAAAAAAAGAAAAAA
ACCATAATCCCATAGTACTGAAGTGAACGCTCGAAACTGACTCTTCTGCCGCTTCTCTCTCCGCCGATCACT
AATTCTCGAATCGTCCTAGGGCTGACCCAATTGCTCCCCCGGTGTTCAAACAGGCCGCAGTTTTGTATA
TTTTCGTGACCGTAAGATATGGGAAGGAGATTTTGAACGACGCATTAAGAGCTATTGTCAATGCTGAGAG
GAGGGGAAAATCTATGGTGGAAGTGAACCCATTTCCACTGTCATGGCTTCTTTTCTGAAAGTCATGAAAGAT
CATGGATATATCAAGGACTATCAAGTTCACAATCCACAAAGAGTTGGAAGGATAACAGTTGACCTGCAAGGTA
GGATCAAGGATTGCAAGGCACTCACCTACAGGCAGGACATCAAGGCAAAGGATATTGAAGCTTACAGATTAC
GAACACTTCCAACACTTCAGTGGGGTTATGTTGTGATTACTACTCCAGAAGGCATCTTGATCATGAAGAGGC
AATGAAAAGGAATGTTGGGGGTGAGGTTCTTGATTCTTTTATTAGAGAGCCTCCTGTTTGGCTGTTCTTGA
TTTATGAGTTTTTCTTTCAAATGTTCCCATATTGCATTGTGATCTTCTTATGGCTTAGTTTTCTATTGTGGCC
TTTTGATTTTGTATTATCTAATCAAAATGGTGTATGCATTAGTGTATAGAAGGCAGGTACTGCTGTCTCTCTT
TGAGTGTTGTTGCTCCCTCCAAGAATATAAGCATAATATCAGTTTTGAACTCTCAGAAAATGAAAAAAAAAACT
TTATACAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12690AL161491|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 3

TAACACACAAGACAACAATGCTGCAATGCTTAATGCTGCCTTCAAAGAAAAGGCAAAGTATGGGGGGTCTGG
ATGGATTACCATTTTTCAGCCAAGAGGGAGACTGAAATGCCACATCGGAAAGCTCCTGTTTCTTCTTTTCT

CATCTTCATCCCCACAAACAAATAATGTCAAGTTGTTTCATCAATTTGAATCTCATCCTCCTAACATGAATTCTC
AGGGAGATTTAATGTTGGCAGAAGGAATAGTTCACCATGACTCGCCATCTAATCATCAATTTGTAGCAAACAT
GCTTCGCCCTCCTACCTCTGGATTATCTGGATTTGATCATTGATTCATCACCCAATGATGCAGCAGATGCAAA
CTTCAGTTAATCTTCCACCACAGTATCTATTACAAGGGTTATCTAGAGGTGTAGCTCCGCCCATGGCTAACAGA
AGTCTTCCTCTACATCATCACTCCGTGAGAGCTAGTGCAGCACCTCCACAACCCAACCATCAGGTTACTAGTTT
GGTGGACGAACTCAATTCAATGCAAGGATTTATATCGGTGAGCGTATCCCTAATATTGGTGGCCCCAGGATA
CCCTCGCCAGCTCCTGGTAACCAACCGGACGCAATTGAGAGGCTTATCCAAATGGGACATAGATCAAACCTCGA
AGCAAATTCATCCTCTTTGAGCCAGTGGTGGCCATGGTCAGGGGATATACGGTCACGAGTTGAACATGGGTTA
CGGGTACAGGTAAATTGTAACACTGTACTTCAAGCATACCTTACCCAAATCCCCAATTCCTTTGATAGAGAAAG
GAAAAAATTTGCACCTCTTAAGTGAGAATTGAGTGAGAAATGTAAGTAAAGAATCCTTCTTTCTCAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12691XM_001699707|Chlamydomonas reinhardtii lysine decarboxylase
(CHLREDRAFT_7214) mRNA, complete cds

CTTAGGCTTCGCGTTACCTCTCTTTCTATTCCCACCGAGTTCCATTTGTTGCGGTGACTTTCTTTTCAACCGTGCT
TATGGCTGAGAACTAGACGACGGCGAGTTTTGGCTTCTTCTCAGTTTCTTGTTGATGATGATAACATGTTAC
ACCAAAAGCCTCGTGCTACCACCAACAAGAACATTGACCAAAACTGCTTGGGTTCCACTCCTTTCCAACCCCT
CGCTCTTCTTTTCCACTCGAGTTTGGGACTTTTGGTGGCTTTTCCGATTTGCGTTCTTCTGGTGAATCTTTGAAG
GGTTCAAGCGAGACGGAGAGTGATGAGGAGGAGTCTGTGCGTGGCTTGACGACTCTCCGTGTGGCTCGTTCA
TCAATTGATGATACAATGGTTTTGTCCAGATCTCCACAATCGACTCTGTGCGATATGGGGAGTGGAAGTGGTT
GCAGTCAAGTTTCTAGTCGTGGAAGTCCAAAAGGAACTGTAAGACTCAATCTCCTCCGGCTACGTGGGATCT
GTTACATGCGGCTGCAGAGGAAGTTGCTAGGATGCGAATCAAGGAGAGCCATGGGGTTCTTCATCACAACAG
AGGAGCATCTCAAGTCTCTGTTCCGGTGAAAACCTCGACGACCGGCACCGGGTTTTACCAGCAGTTGCAGGCT
CTACAATTTGAGCACCTGCAACAGAAGGAAATTATGCAGCGACAAAACCTGACTGTGCGGTGAGCAGATAAACT
CTCCAGCGGGGTATCAACATCAACACATCCATCAAATGGTTCCGAATGGAGTGAGAGGCTGTAGGGGATTTTC
GTCACCTGCTTGGCTTCAACCGCCTCACGGCTCTGGAATGAGGACTCTGTTTCTAGGAAACTCAGGAGGCAAA
AGAGATGCGCTGGAACCTGGCGT

>trans_s_12692NM_120583|Arabidopsis thaliana clathrin adaptor complexes medium subunit-
related (AT5G05010) mRNA, complete cds

TCCCTGCAAATTCCTTAACCAAGAAGATGCCACATTCAAGTTCAGATTGAGACTGGTGGGAATCCTGGCATCCT
TTTCAAAACTCATCCTAACATGAATAAAGAATTATTTTCCAATGAAAAATTTCTCGGCCTGAAAGACCCGAACC
GGCCATTTCTACTGGTCAAGGTAGTGATGCTGGAGTTGGTCTCTTAAAGTGGAGAATGCAAAGCACAGACG
AATCAATGGTACCATTAACAATCAACTGCTGGCCCTCTGTTTCTGGAAACGAAACCTATGTCAGCATTGAGTAC
GAGGCTTCATCGATGTTTGACCTGCGGAATGTTGTCATCTCAGTGCCTCTTCCTGCTCTTCGTGAGGCACCTAG
TGTAAGGCAGATTGATGGAGAATGGAGGTACGATTCCAGAAATCTGTCTTGGAGTGGTCTATAGTTCTCATT
GATAACTCAAACCGCAGTGGATCAATGGAGTTCGTCGTCCTCCAGCCGATTCATCCGTATTTTTCCCCATTTCT
GTTCCGTTTTTCAGCCACTAGCACATTTAGTGACATGAAGGTTGTCAACATTTTGCCTCTTAGGGGCGGTGCTCC
TCCCAAATATGCTCAAAGGACACAGTTGATTACGGAAAATTACCAAGTTGTGTGATTGGCGATGCCTTTTTTAT
TAAAATTTTCCCGACATTTTGCAGTGAAGAAAATCGTAGTTATTTGGGCAATTTACTTGTATATTTACTGTTTT
GAATTTATTCAGAACTGGAAGCGGCCATATGATGATTCATTCACTTTTTTATTTGTTTAAAGGATGTTAGAGT
CCGAAGACATTGCAATATCATGTTGCTTAGTATATCACCCATCAAATTATGATACATAATCCTTGTTGCATAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12693NM_126229|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G01680) mRNA, complete cds

CTCTTTCATTTTCCCATTTCTTCTTCTCTCCCATTTACTCCCTCAACCCCAATTTAGTTTTCGAATTCTTCGTGGG
TTTCTCTCAAAATTGAAATTCGGGGAGGTTAGGGATGATGGAATCCAAGACTCTGCGATTCAATACCCATCAAT
CGTTCTTCTCTGTTGTTTCGATCGGGGGATCTTGAGGCTGTAAACAGGTTTTGGATAAGCTGAGTGGAGATGA
CCAGGCTGAGGGTTCTTCGATTACCGATCTGATGGCGATGCAGAACGATGCTGGGGAGACGCCTTTGTATGT
CGCTGCTGAGAATAATCTTGAGGATGTTTTTCTACTTGCTTCAATTTTCCACTGTTGAGATCCTGAAGATTAG
GTCCAAATCTGATTTGCACCCTTTTCATGTTGCTGCTAAGCGTGGCCATCTAGTGCACAACAATTTTTCGATAA
GTTCTGCTGGCTGGGGCGGAGCAAAGGAGAAAGGAGGGAGGCTGTATAAAAAATTGTAGTAAAAAGTCAAA
GATTTTGAATCTTTACTCTAATTTTGTCAATAAAAAATTCAGAATTCGTAGATTAATGTTAAACATACACTTTTT
TCTGGCTCTGCCCCTTTCCGGAAGACTAGCACATTATTTGTGTAGGCCGGAGTTTGACCTTGATTAGTAAACAC
TCGGCTGTAACCTTGATGGTGGATTAATCTCTGGTTCATGTTATAGTTACACTATAGGTTCTCGGATTTTAAATTA
TGGTGCAGCTGAAAATAATCCAAATTGGATATCCTGCAAATTTTGATTGTTTTATGAACCTTTGTTTCCTTTATAA
ATGGTCAGGTTTCATGCCGGCTATGTTTTGAACACAATATAAGTTTTATTGGTTGGGTGCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12694AJ866989|Cucumis sativus partial ps-1 gene for serpin

ATTCAATTCTCAACGACCGAAGAACGACTTGGAGTTCCAAATTCCTGTTTTCGATTATCCGTTTCTAAACCATC
GATTCTCCGGCTACCGGAAAATGGATATCAGAGAAACGATCAGAAGCCATGGCGACGTCGCCATAGCCATC
ACCAAGCACCTTCTCCTAAACGAAGCCAAAGCCTCCAACGTTGTCTCTCGCCCTGTCAATCCATGTGCTTCTC
AGCCTCATCGCTGCTGTTCCAAAGTCTCCGCTGGATCAACTTCTTTCCTTCTCAAATCTAACTCCACCGAC
AACCTCAACTCCTTCGCTTCTCAAATCGTAGCCACGGTCTTCGCTGATGCCTCTCCCAGTGGCGGACCTCGCCT
CGCATTTGCCAATGGGGTTTGGGTTGATCAATCACTTCTCTCAAACCTTCTTCAAACAAGTTGTGGACACTCT
TTATAAAGCCAAGCTCAGCCAAGCTGATTTCAAGACTAAGGCTGTGCAAGTGAAGTTCAGAAAGTGAATTCATGG
GCTGAAAAGCAAATAATGGACTTATCACAGAGGTTCTTCCCCTGGATCAGTTGATAGTCTCTCTAAGCTCAT
CCTTGCTAATGCACTCTACTTCAAAGGGGAATGGGAAGAGAAATTCGATGCTTCAAAAACAAAGAAACAAGA
TTTCTACCTCCTTGATGGAAGTTCAAGTGGAGTCCCCCTTATGACCAGCAAGAATAAGCAATATATAGCTACTT
TTGAAGGATTTAAAGTTCTTGATTGTCATACAAACAAGGATCTGATCCACGTCATTTTTCTATGTACATCTTTC
TCCCGGATTGCAAGGATGGATTGCCATCTTGATCCAAAACTAGATTCCCAATCCGAAGTCATCGACCGCCAC
ACTCCATATGAAAA

>trans_s_12695XM_002308824|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP98A27), mRNA

ATCTCAAGCAATTTGATAGATACATTTCTTAGTAAAGAAGTCAATCCATCATCCCAAGCAATTTGATAGTACCC
AAAATTCCACCATTTTAAATTCTTCATCTTATTTTTACAGGTCTATATTCGATTCCCAAAAAAGCGATCATGAA
ACTGAATCACATAGCAGTGCCATTGCTATTTCTTCTTCTGCTGCCTTCGATTTGGGGTTTTCCATTGAAGACCC
ATTTATCAGGATGAACTGGGAGGCGTTCGTGATTACATCGGCTCACAGAACCGCGTTGAAATCGAATCTCTC
GCTCGTTTTGCAGTTCAAGAACAACAACAAGAGAATGGTCTTTTGAATTTGACCGAGTGTTGAAAGCTA
AAGAACAGGTAGTTGCTGGTAAATTGTATCATCTTACATTGGAAGCCATTGATGGTGGCAAGAAGAAGGTTTA
TGAAGCCAAAGTGTGGGTGAAGCCTTGGATGAACTTCAAACAGTTGCAGGAATTCAAGCTATGCACATGATTC
ATCTTCAGTGTATGGTTACTTTGTCGAGCTGGAGTCGAGAGTTGTAAGTGTACCATGTCGTAAAAATTTCCAATC
TTTGCTGTTCTTGGATGGCAAATAACTGAAGACTATCTATGCATACTCGTTCTCCATAGCCGTTTGGATTGCT
GCTGACAGTAGCAACAAAATAGAACATTAACATTAAGGTAACTAACTGAGACATTATAAGAATGCTATTAT
ATAGTTTGTTTATAATAATCGCGAAATGATGGAAGTGGTAACTAAGTTTGTAACAAATAAGAGATGTATA

TACTTTCATGTAGAAATCCCTTTAAAGTTTGGTAATGATAATACTCGCAATTGTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12696BT025272|Arabidopsis thaliana At5g40690 mRNA, complete cds

AATCCTCTCTTTCCTTTCTTCTCTCCTCACCTCAATTTACCACTCCAAAATGAAGAGGGAAGGTCGCCAACAT
GGCATGGTAAGAACCTACCGGATCATCCCTTCCCATGGAACCCAGACCCGAACTCGATTGTTAACGAGC
TCGATTTCCCTCCTACTGCTGGCCTTTTCACTAAGGTCTCATCCAAGCCTACCAACCACTCCAAGTTCACCGGAA
AATGCAGCAAGCCTCGATGCTCTGGTTGCAGGCTACACCCAGTTCAAAAGGCCAAGGATAAAACCAAGGGAT
CTCGTAAGTTCAAGTTTACCAACTCCTCATTGACTTCTCAATGGATGACTTCAATGAATGCCCAGCATCATTG
ATGATGACAGTGACGATCAGTCACTGGAGGAAATAGATGTTAAGTTGAGGGTTGGAGATATTCATCGCCACA
ACGACGATGACTATCAGCTGCAGAAAGTAACAGATTTTGAATCAAGGGTTGAAGGTATTCATCATCATGTGGA
TGATGAAGATGAAAGGAGTTACCACAAAGTGGAATTCGTCTGTGGACGAAGCAGTGAGGGGAGATGACAGTT
GGTGTTTGGTAGAAGAAAGACAAGCAATCTAATGGACAATGAGGCAGTTGGAAAGTAACAGGCAGCTTGCA
TCCATAGCTGTGTAACTTTCTGCCTCAAACCTTTAATCAATGTGGATATGAATAATGGTTTCAATCTCTATTCA
AACTTTACGAAGTGGGTTCTCTGTAAATCCAGGATTAGAGGGAAACACTTGGAATATCTAACTCTGTTCTTT
GTATATCCTTTTCATTCATCTTTCACTGTTTTCTATTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12697XM_002297705|Populus trichocarpa type-a response regulator (PtRR5), mRNA

AAATCAACCTTGAAGATCCTCTCGATTCCGAATCAAATCTGTGGATCTCACTTCCAAGTGTACATTTCAACA
TTTTCAATCAATTCGATCATCCTTACATATAAAAACTCCTTCAATCCCTCCTCTCCTTCTCAAATTCAATCTTCT
TCTTCTTCTTCTCCAATTCATATTCTCTTTACTTCTTACCTATTTTTAGCTTTTAGCTATGGTTGTTGCTCTTGA
ATCCACCCCTTTCCACGTTCTTGCTGTTGATGATAGCTTCATCGATCGAAATTGATCGAACGCCTCTCAAAC
CTCTTCTATCATGTTACTGCTGTTGATTCCGGCACTAAGGCCTTGGAATTTCTCGGTCTTGTTCAAGATCACGA
TCAACAACTGACTCCAAAATCGCTCCTGAAAATCATCATCAAGAAGTGGATGTAAATTTAATCATCACGG
ATTACAGTATGCCTGGAATGAGTGGCTACGAACTCCTCAGAAAAATCAAGGAATCGAAATCTCTTAAAGACAT
ACCGGTTGTGATTATGTCATCTGAGAATGTTCCCTCAAGAATCAACAGATGCTTGGAAGAAGGAGCGGAAGA
ATTCTTCTCAAACAGTTCAATTATCCGATGTCAGGAAATTGAGACCTCATTTGATTAAAGAAAAATCCACAA
ACAATTGACGATGAAGAAAGAACAGCAACAAGAATTCTTCAACAATAATTTTTCTTTATTTTTGAGTAATTCT
GTAAAGAATTAGATCCCCAAAAGTACTCTTAGAGTTCTACACACACATTTCTTGGGAACTAACCGAATGTA
TAAATCTACTTTTCAATTTTGCCTTCTAATTCAATGGAATCATTTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_12698BT005253|Arabidopsis thaliana At2g38025 mRNA, complete cds

ATAGCCGTCGTGGGAGAGCGTCAGGCGTGTTTGAATATAATAGGCAAGCAAGTAGCGACTCTCTCTTCGTTCT
TCTCCGATGGATATTATGGCGGAGAAGCCTCGAAATGCGTCAATTCTCGAGCAATTGCAACTAGGAATTGCTC
GGTTTGAGTTCTCATCTTCTCCTGTAAGTTCAATTTACCTTCGAACTCAGTTGCTTCTTCTTCCCTTTGTCTATG
AATCGTGGTCATCCAATCTTTGCTAAAATTGGACCCGTGCTGGGGATTGAATCGCCTGCATTGAGGAAAGCTG
AGCAATACAAAGTCCAAAAGTTACTGGAGATGGACGCTGCCTTTTCCGTGCGCTTGCTAAAGGAATGGCTTA
CAACAGGGGGATTCTCTTCGTCCATTTGAGGAGAAAAATGATGCAGATGATTTACGCATGGCTGTGAAAGA
AGTCATTTGTGACAATGACAAAGAAAGACGGCAGTATGAAGAAGCCCTTAGCAATTACTGTGGAGGAGCC
ATTAGAACGCTATTGCCAACGAATTCGGACACCTGATTTCTGGGGTGGAGAGTCAGAGCTATTGGTATTGTCA
AAGCTCTGCAAGCAACCTATCATTGTCTACATACCAGGGCATGAGCACAAAATGGGTTGTCGGGGCCATAGCT
TTATTCCCATTGCAGAATATGGAGCTGAGTTCAAGGGAGGAAAGCCCAAGAAACCTGTGAGGTTGCTTTACA

GCGGTAGAAACCACTACGATCTACTTGTGTTGAGAATCTTATCTGAAGGCCATCCCATTCCCATCTTGTTTTTTG
AGTTTCGAGTATAAATGAGGCCATAGATTTGAATCAAAGACGACTTGATTTTGTACATATACAAACGTCAATC
GAGTCTTGCCGATGTTGCTAAT

>trans_s_12699FJ915827|Jatropha curcas universal stress protein mRNA, complete cds

ATGGTGGAGTCTCTTCCCCTTGAATTCCGCTTCCTTCTTCAAGATTCTCTCATTATGAAAGAAAAACCAAGCT
TTCCGACATTCATTCCATTCTTCTTCCAAAAAGCTCAAACGCACTGAAAATCCCAACCCACAAAAAGCAT
GGACGGTCAACGGAGAGTCGGCGTCGCGGTGGATTCTCTGCCTGCAGCATTAAAGCCCTCAAATGGGCCAT
CGACAACGTTGTCCGCAAGGGCGATTACCTTGTTCTCATCGCCGTTTCGTCCCGAAGGCGATTATGAAGACGGC
GAGATGCAGCTCTGGCAAACCACCGGATCTCCGCTTATTCTTTGATTGAATTTTCCGATCCGAACACTATGAG
GAAGTACGGGATTAAGCCTGATGCTGAAACTCTGGATATTGTGACAACGGCGGCTGCTCAGAAGGAGATCAC
TGTTTTGCTTAAGATTTATTGGGGAGATGCTCGTGAGAAGATTTGTGAAGCAATTGATAATATTCCTATTACTT
GTCTCATCATTGGGAACAGAGGTCTTGCCAACTTAAGAGGGCCATATTGGGGAGTGTAAGCAACTATGTAG
TGAACAATGGTTCGTGTCCAGTCACTGTGGTGAAGAAAGCAGATCATGAGAACTGATCATCCCAACCCAACAA
CACTCTTTAAATCTACACTTCCCCATTCAAATTTCTGATTGTTTTTTGTGAATTTGGTAATGTATATGTTGATGA
TGGTTTGTCTTAAGTGTGACGTGTTGTTAAACGTTTGTTAAATAACGAGTGTTTTTATGGGCTGTTATTG
GAATGGTTTATAGGCTGTTTGGGTGTGTTCTTGAAAACAATTTCTGTTCAATAACAAATTAGTAAAAAAAAA
AAAAAAAAA

>trans_s_12700AB488807|Glycine max GmATG3a mRNA for autophagy protein ATG3, complete cds

ACGTTTCTCCGTTGAAGCCCAAATTTGGGTCATCTCCCCATAGCCCAATTCGGTGGTCGATCAGAGTCAAGC
TTCTGCCGGGGGATTTCAATCTTCTTCCAATTTCCAATTTCCAATTTCTCAATTTTTTCCATCTGGACTTGTCC
AATTCAACCCAGATTTGAGATCATGGTTTTATCCAGAAGCTTCACGAGGCCTTCAAAGGAACTGTTGAGAGG
ATCACCGGACCTCGAACCGTCTCCGCTTCAAAGAGAAAGGCGTTCTCAGTGTTTCTGAGTTCATCATCGCCGG
TGATAATCTTGTCTCCAAGTGTCCACCTGGTCTTGGGAGTCAGGTGATCTGAACAAGAGGAAATCATATCTG
CCCCAGATAAGCAATCTTGATTACCAGAAATGTTCTTGCCTGCGCCGGGCTGCCCTATAGAAGAGGAGT
ATGAAGCTGCAGGTGGTGAAGTTCTTCTTGATAATGAAGATGGTGATGGCTGGCTGGCGACCCATGGGAAAC
CAAAGGAAGAAAAAGTGATGAAGAGGAAAACTGCCTTCCTTAGAAGCTCTTGAAATCAGCAGGACCAAGG
TTGTTAAGTCAATTCAAACTATTTTGGTGGTGAAGATGAAGACGATGTTCTGACCTGGATGATATCGAAGA
AACTGACAATGTTGTTGGAAGTATGCAGCCACTCTGCCATTGACCTATCAAATTGCCACGAACCTGATGAC
GATAATATCCTACGAACACGAAGTATGATGTCAGCATCACGTATGATAAATATTATCAGACACCACGTGTTTG
GCTTACGGGATATGATGAGTCAAGGATGCTCTTACAGTCAGAACTTGTTCTTGAAGATGTTAGTCAAGATCAT
GCTCGAAAAACAGTGA

>trans_s_12701AY052357|Arabidopsis thaliana At2g46420/F11C10.11 mRNA, complete cds

CGTAACAAAATCCATGTTCAACATTTTCTTCTCCTTTCTTCCATTTGATTTATTTTATTCTCTTTCGTTTTCTTT
TTTCTCTCGCTACTTCGGCTTCGATGGAGGATTTCTTTTCGTTATCGTCTTTTGCTACTAAGCTTTGAGTAAATC
TCAGCTGCGAAGTTCAGTGCCATTTCTGTTTCATCAATCCGTATCAATTTCGCGTTTCAGAGCTCTTTTCTGGAGC
TTACGTTACTAAATTTGTCGACACTAAGCATTTTCAACGACTGTTGGAATCTTGTTGCAAGCGAATAATCAAG
CCTACAAGAGCTATACCTATGCATATAACCACGTTTGTCTGTCAGCCTTTGCTGTGCTTAAAGAGTTCCTAAAT
TGTATAGAGAGATGTGATCATTCTGCTTCAACTGATATGAAGACGGCACAGAGAGCTCAAGATACAAAAAA
GCTTTGGATGAAACTGAAAATAACCTACCAACAACAAAACTGAGGCTCCTATAACAGACGCAGGTTTCAGTAT
CTGGCTCAAACAATGATGGCAAAAAAGTTTCTACCAAGATATTGAATTTGTCCAGAATTTAATAGAGCGGTG
CCTACAATTGTATATGAATAGAGATGAGGTAGTTAAGACCCTGCTGAATCGTGCAAGGATAGATCCTGGATTT

ACGTCATTAGTTTGGCAGAAGCTGGAAGAAGAGAATGCTGATTTTTTCAGAGCTTATTACATAAGGTTAAAT
TGAAAAAGCAAATCCTCCTTTTTAATCATTTGCTTGAAACATCATACCGTCTCATGAACTATTCCATGCCTCCCA
AAGTTCCATTAGCTCCTATGCAGAATGGAATTCATCTATATCTGTTAACAACTACCCATGGGATATCCAGTCTC
TTC

>trans_s_12702AY247755|Glycine max seed calcium dependent protein kinase b mRNA, complete
cds

ATTGAAATTCCTCGGGGAAAAACAAATGCGTTCTCAATCCATCTAGTTTCGACGATTTAATGCTTGTAGGACAA
TCCTTCAAGTTACCAGCGACGATGACAACCCAAATTTCCGATGCCAGAATCAATAAACCGGACCAACAGCGA
CTGTAGCCAAGAAAACCATTTCTTTTTCTGTTTTTCAATCATCAGAACCAATTTGATTCCATTTCTCATCTGGGT
TTCATGGAGAAGCCGATCAAAGCATCGCAATCCTCTTCCACGAAGGTCGCCTCTTCGGTTTTGCCGTATCAGAC
CCCTAGGCTCAGAGATCATTACCTTCTTGGGAAGAACTTGGGCAGGGCCAATTTGGAACAACGTACCTTTGT
ACTCATCGAGCCACAGGGGACCTTTATGCTTGCAAATCAATCCCCAACGGAAGCTCCTGTGTAAAGAGGATT
ATGAGGATGTTTGGAGGGAGATTGAGATCATGCACCATTTGTCCGAACATCCCAATGTTGTTCAAATCAAGGG
GACGTATGAGGATTCTGTGTTTGTGCACTTGGTGATGGAGCTTTGTGCTGGTGGTGAGCTTTTTGATAGGATT
TTGCTCAAGGGTCATTACAGCGAGAGAGAAGCGGCCAAGCTAATCAAGACAATTGTTGGAGTGGTGGAGACT
TGCCACTCTCTTGGGGTTATGCATAGAGATCTCAAGCCTGAGAACTTTTTGTTGACAACCCTGGTGAAGACGC
TAAGCTGAAGGCCGAGATTTTGGGCTCTCTGTTTTTATCAGCCAGGAACTCTTTCTGTGATGTAGTTGGTA
GCCCATTATGTTGCTCCCGAAGTGCTCCGGAAGCACTATGGGCATGAGGTTGATGTATGGAGTGCAGGTG
TTATCCTCTA

>trans_s_12703BT025796|Arabidopsis thaliana At1g77930 mRNA, complete cds

AAGCTTTTCTTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCGGTATCAATTTGCTTCAGAGTCTGTAGCTGTGGAGCTA
AAGATGAGTAATTTGAGGACAGTGTGTAGGCCTCATGCCATGTTTTCTTCCTTCATCTTTAGCAGCGGATTCCG
ATCTATCCCCACGGTTTCTTTTGGAAACCCTAATAACAAACGCCGGTTCTCACTTTTTCTCACACCTTCAATTCC
TCGCCCTGCTTTTGTCCCACCCAGAACTGGTTCGGTATCAATCAGCGGAGAACGCTCGCCATGGCTTCCAATTG
GGCTAACGAAAAATCTCCTTATGAACTCTCGAATTAGAGAGGGATGCTGATGATGAACAGATAAAAAGTTC
GTATAGACGCTTGGCTAAATTTTATCATCCGGATGTTTATGATGGTAGAGGAACTCTGAAGAAGGAGAAACA
GCTGAAGCTAGATTCATCAAGATTCAAGCTGCTTATGAATTGCTCATAGATGATGAGAAGCGGAGGCAGTAT
GATGTAGATAATCGAGTTAATCCAATGAAGGCATCTCAAGCATGGATGGAGTGGCTTATAAAAAAGCGCAAA
GCTTTCGATCAACGGGGCGAGATGGCAATAGCGGCTTGGGCTGAGCAACAGCAGCGTGAGATGAATCTAAG
AGCTCGACGCCTTTCTCAATCAAAGGTTGATCCTTTGGAAGAGAAAAGATTACTGGCAAAAGAAAAGAAGGC
GTCAATAGAGTACTTTAACAGCACTGAAGCGCCACGTACTTGTCTTGAAGAAAAGGGATATAATGAGAAG
AAAAGCAGAGGAGGAAAAGAAGAAGGTAATAAGCCAACCTTTAGCTGAAGAAGGCCTCGAGCTCGATACAG
ATGATGATGACCACCT

>trans_s_12704NM_100137|Arabidopsis thaliana CLPP5 (NUCLEAR ENCODED CLP PROTEASE 5);
serine-type endopeptidase (CLPP5) mRNA, complete cds

AAGAGGAGATATTCACGGAGGTCACTGCCAACAAATTACTTGCTTGACCCATCTTCTCTCCTTCACCATCTTCG
CCGTCGTTGGTTTCTTCCAGCGGATAAGGCCTCTCCGACTTTCCTCCCAACTCACGCCTCCTCCTAATTCTCCGC
CACTTTCATTTCTCCTGTGATATTTCCCAACCTTTACCTGCAAAAATGGCCCATACTTTCGCCTACACATCTGCC
TCGTCTTTCGGATTAACTCTCTCGTTTCTGTTCCAAATTCTAGCTCTTCTTCTGACTCCCAGAAGTTCTTTCTTCC
ACTGGAGCCTTTTCACTCGAGGAACTAGGAAAATTAGTTGGAGGTGGAAGGAACCTCAAGAATTCTCCAGT
AAAAGCCATGTACTCGGGGGAGTTTTTCATCAATGGATAGGAATTCTCGCCAAGGAATTTGGTCTATAAGGGAT

GATGTGCAAGTTCATCTTCACCATACTTCCTGTTTACGCACAAGGGCAAGGCCCTCTCCAATGGTGCAAGA
ACGCTTCCAAAGTGTATAAGCCAGCTTTTCAATATAGAATTATTCGTTGTGGTGGAGCTGTTGATGATGATA
TGGCAAACATCATTGTTGCTCAACTTCTATACCTTGATGCTGTTGATCCCAATAAGGATATTGTGATGTATGTA
AATCCCCTGGTGGATCAGTTACAGCTGGTATGGCCATTTTTGATACTATGAGACATATTAGACCCGACGTTTC
TACTGTCTGCGTTGGATTAGCAGCCAGTATGGGAGCTTTCCTGCTTAGCGCTGGAATAAGGAAAAAGATAC
AGTTTGCCAAATTCAAGGATAATGATCCATCAGCCTCTCGGTGGTGCTCAGGGTGGACAGACTGACATTGATA
T

>trans_s_12705NM_121606|Arabidopsis thaliana 3-oxo-5-alpha-steroid 4-dehydrogenase family
protein / steroid 5-alpha-reductase family protein (AT5G16010) mRNA, complete cds

AAAAACGAGAGTTACGGGATTTTACTCAAAGGCTTCACCACTTCAGTTAACGGCTGCAATGAATGCTTTATCG
GTGTTTTTCTTCCGATGCCGCCATCACTGTTAGTTAACGTGATGACGGTGGTGAGTTCGGCGGTGGTAGCGG
TCATAGGGCTTTCGGAAGCGAGAGGAACGCATTTGCAGTATTCGAAGTTCTGGAATACGAGTAATAGTGCTA
CGAAATCATCTAACTCAGAGCAACTCAGGATTTCTCAAGATTAGGGATGCTACTGCTTTATACTCCTGCAGCT
CTCGCTGGCGCTGCGTCGTTCTGGTTCTTCCGAACGACGATTGGAGAGTTCTTCTGCTTAAGTCAGCTCTCAC
TCTCCATTTCTTCAAGCGCGACTTTGAGGTACTGTTTGCCACAAATACAGCGGCAAAATGGTACTCGATTAG
CATCCATAATCTCCCTCAGCTACTTCTCTTCTACAGCCCTTATGATATACGCTCAACAGCTATCAAAAGCACTTC
CAGAGCCAACCATCGATCTGAAGAACATTGGAATTGCTCTGTTTCTAATAGGCATTATTGGTAACATGTACCAC
CACATTCCTTTGTCTCAAAGTAGAAAGAAAGGAGAAACAGGCTACAAAATCCGAAAGGTGGCCTCTTCGGCA
TCGTCATTTGCCCTCACTACCTGTTTCAAATAACCGTGATTTTCGGCTTCGCTCTCATCTCTCAGACATTTTACTC
GTTCTTCTTCGCCATTGCCACTGCTATCTATCTGGGTGGAAGAAGCTACGCCACATGGAAATGGTACGTCTCTA
AATTTGAAGACTTCCCTCAACATATCAAAGCCCTTATTCCCTTTGTATTTAAGCTCACGAGTCAATTATGTAA
ATTA

>trans_s_12706NM_001057316|Oryza sativa Japonica Group Os03g0648900 (Os03g0648900)
mRNA, partial cds

AACGCCCAAATGACTGTTGAGTCCAATTCATTTCAACCACTCCTCTTCGTTTCGCCTCCATCTTCAACCTCCGTT
CTTCTCCATTTTCCACTTCCAGGCTCTGTTTTGCGGACGCCGAAACGTGATTGGAATGGACAAAGAAGGATTC
TTACAGCCTGCGGAGGCAGTTGTCGCCGATTCCGATTTGCTGAAGAAGAACTTGATGCTTTGCGTTTTTCCG
GTCCGCAGAAGCTCCAGTTATTGCCGATTTTGATGCTACGCTAACGAGGTACTGGATTGATGGCTGCCGTGG
TCAAAGTAGTCATGGTCTTCTAAAGCAGGGGAATCCTGAATATGACACTAAGAGGGATGAACTTTATAAATAT
TACCATCCCTTGAATATTCTCCTACAATTTGATAGAAAGAGAAAACCAAGCTCATGGAAGAATGGTGGGGCA
AAAGCCATTCATTCTGATTGAAGGAGGTCTTACGTTTGATGCAATAAAGCAATCAGTTGCTGCTGCCACTATT
GCTTTTAGGGAGGGAGTGGTTGAGCTGTTTGAAGTCTAGAGGAAAAGGGTGTTCTGTTCTTATATTTTCAG
CAGGCCTTGCTGACATTATAGAGGAGGTCTGAGGCAGAACTTCACAGATCTTTCAAAAATATTAGGATCGT
TTCAAATAGAATGGTGTGTTGATGATAATGGTTGCCTTGATCATTTAAGGGCAAGACGATTATAGTCTAAATA
AAAATGAGCATGCTCTTGATATGGCTGCTCCTGTCATGACCAATTGGGTGATGTAGATGGCGCAATTAATGA
CAGCGCTTCTGTAAGAAACGGACAAATGTACTTCTTCTGGTGACACATTGGGGATTGGGGATGTCAGACGG
TTTAAACTA

>trans_s_12707DQ118095|Vitis vinifera AlaT1 mRNA, complete cds

AATCCATACTCCAATTTTCAGTGGCTCTGATGCATCGTTACGTTCAATTTTATTGCCACATAATCCCCCTCCCCA
ATATCCAACCTTTCCTCAGACCCGGGTCCCAATTTTGTGTGTCAGTCGAATATCGCTGCATTTCTCAATAGTTT
CCCTCTCTTCTGCAGCGATTCGCTCCAACAAAGGTTCAAGGCAGATTTTCTTGGTTGGTAAATTCTAGCTTTG

TTTGCTGTATTGGAGTGATAGATTAAATAAGTCAAGTACATCACCATGTCACGCAAGGCACTAGACTATGAC
TCGATTAATGAAAACGTGAAAAAAGCTCAGTATGCTGTCAGAGGAGAACTATATCTGCGAGCTTCTGAGCTTC
AGAAGGAAGGAAAAAGGATTATTTTCACAAATGTTGGGAATCCCCATGCTCTTGGACAGAAGCCATTGACTTT
TCCACGTCAGGTTGTCGCTCTTTGCCAAGCTCCCGTTCTGTTAGAAGATCCCAATGTAGGATTAATATTTCTGCT
TGATGCTATTGCAAGAGCCAAACATTACCTCTCACTGATTCCAGGAGGCCTAGGTGCTTACAGCGATTCCCGA
GGAATTCCTGCAATTAGGAAGGAAGTAGCAGACTTTATAGGAAGGCGAGATGGCTATCCAAGCGATCCAGAA
CTCATATACCTCACTGATGGTGCTAGTAAAGGTGTTATGCAGATTTTGAATACTATTATCCGCGGTGCAGGGG
ATGGGATTCTGGTCCCGTTCCACAATACCCTCTTACTCAGCCGCAATTGCACTGTTGCGGGGGTTCCCTTGG
TCCGTAACCTAGAAGAGACTCCAAATTGGGGTCTAGATGTCAACGACCTTCGCCAAATCCGTTGTCAGGCT
CGCTCC

>trans_s_12708NM_001072868|Oryza sativa Japonica Group Os12g0189700 (Os12g0189700)
mRNA, complete cds

AACAGCCATGGGTTCTACAAGGCTACTGATTCCCCATCTTCTTTTCCCTCTTCTTCTGCTTCTTCTTCT
TCTTCTTCTTCTTCTTCTCACAATCCATCAACCAACCCTCACACCAAATCTTCAAAACCCCTTTCATTCCCAACCA
TAATTCATTACCAACCAGGCGTTTGTGCTCTTCTCCCTCCCCATAGCCACTGCCTTCTTCTCCCAATTCCGAAC
AATCCAATTCAACCCAGTTCTTCTTTGCTGTGGAGAGCTTTGACCCTGTCAGCCGTTCCGAGAAAGAAGCCAG
TGCCGCCATTTACGAAGAGTATCTGAAGCTGTGGAGCTTCTCGATAAAGGCAGGGAGTTGCAAGCTCTTGGT
GATTTCAATCAAGCTCTTCTCTACTTCACTCAGGTAATTGATAAATATAAAGATTTTGCTTCTCGGACTATGCC
CGAGTAGGCAGAGCGTTGGCCCTGTACGAGATTGGTGACCGAGAAGAAGCAATTGCAGAGATGGAGGATGT
TTCCATATCATTGAAGGGATATCCAGAAGTGCATGCGGCATTGGCTGCAGCTTTATACGTGGATAAGCATGCT
GCATTGCTGGCTGAAAATCAATTCACCATTGCAACCTTGCTTGATCCTCACTATGTGGATATCTCGTATGTGAA
AGAAACAAAGCACTGGCCTCCTAGTTTGATCAGTTCTTTGCAACATTCCCTAACACTTTCTTAGACATTTGTAAT
AAAATATATATACAGTTTCTGTCAAAAAAATCAATTCTTGTTTTGTAAGTGCACAAAATGTATTACACTTTT
AAACATCCATGTAAATATTAGTAGAAATATAGTTTATTTAGTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12709NM_001051694|Oryza sativa Japonica Group Os01g0911200 (Os01g0911200)
mRNA, complete cds

TAGATTTCTTGGGTTGGTCGAGAAGTTTTCTATCTCTCAGGTCGATACGACATTCAGTTAACTGTTGGTGAT
GCCATCATGGAGAATTCTTTCTTACGGGTCATTGGTCATATTGACTTGGATCTACCTGAGGCACCAGAGAAGG
CAGCTCGTCCACCTCTACAGCCTGTCGATCTTTACTCACGTTACGGGCCCAAAGCTGAGATAAGTCACATCTTC
AGGGCTCCAGAAAAGCGTCCACCTAAGGAGCTCTCTTACTTTCTTGGGCCTCACATTTTACCCTTCCTTGG
TTTCTGGTTGGGCTATTGCGATTGGGTGTGAATCTAAAGAACTTCCCGACTCCAACAGTACCTGCCACCTTCGC
CTTTCTCTCCATCTTAGCATTGCAGCAGTTATCCTGCTTTACACGTTCTTTTGGTTGAAGTTGGACTTGTTACA
ACCTTAAAAGCACTGGGCATCTTAGGTGTTCTTTTGGTATTTTTGGGACACAGGACCCTCTCCACCTTGCTTCA
ACCTCAGCTAAGTTGAAATCTGCCTGAGATTGTGTTTTTTGATTTCTTTGGAGGAAAGAACTTTAGGAAGTT
ATACTTTCAAAGACTAGCCTTAGGCAGTCTCTCATATTTATATGGTTCAATCCAGGTTTTGTACACGGCTCAACA
GTTTGGTTAGCTAAGAATAACAGAATATTTGTGCGCCCTCCACTCCTACATGGTTGGTTTGGTGGTGCATTTGG
GATAGCTTTTTAATCCGTAATATATCAGAAATTACAATTGAGATTAGAATAACATTATGGACATTTGTGCCCTT
TAATTTATTATTTATTAGCTAGGTCAACCATATATTACTATCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12710BT012393|Arabidopsis thaliana At5g58250 mRNA, complete cds

AGATTTTGCTGATTAATTTTGTGGCCATTTCTCCATTTTGTCTGCTCAAATTAATCAATCACAACGACTAG
AAGAAGCAATTAGCCAAATGTTAGGCACTGCGAATCTTGTTATGGGCTCATCTTCAGCCGCCGTGGCTACTTC

AACGCACTTTGCTGCCGTGAAATCTCTCCGACCTCTGGAATCGGTCACCACAATCGCTTCCCAACTCCTTCATT
GCCATTGCTTTTGCCTTCTACTTCTATTTTCAGCTCATGCTTCTTGTCTTCGCCACTTTCTTCTCTTTCTTCTCCCTT
CAACACCGCAATCGCCGCCGTTAACTCCGATTCCGCCGATAAGCAAGAATCGATTAAGTATTATTTTCTAGTTG
CAAATGCGAAGTTTATGCTTGATGAAGAGGAGCATTTCAAAGAACTTTGTTTGAGCGGCTTCGGAACATATGG
CGAGCGTAACAAGGAGCAGGATTTTGGCTTGTCATTGAGCCTAAATCTTGGACAAGTTTCTAATATCACAA
AGAGATTGCGGAGACCTGCCGTTGCTCTTGTTCACCGATAGTACCTGGATTACTTTTATGAAGCTGAGACT
GGACCGAGTTTTAGCCGAAAGCTATGAAGCCAACAGCATAGAAGAAGCATTGGCTTCGACTCCGACGAACCT
GGAGTTTGAGAAGCCTGAAAAGTGGGTGGCTCCTTATTCTAAGTATGAATATGGATGGTGGGAGGCTTTCTT
GCCGCCAGTAACAAAAGCAGAAGCAAAAGTATAAGCTGTATGTAGCTTTAATTTATTTACCAGCCTTTTTTACC
CTCTCTGATCAATTATGAATTTGATGGTGTGAGGATTCGTAAACATTTGTAGTTGGAAGGCAGTTTTTTTTT
T

>trans_s_12711NM_122210|Arabidopsis thaliana CDF1 (CELL GROWTH DEFECT FACTOR 1) (CDF1)
mRNA, complete cds

ATTCGCCCAGATTTGCAATATCCCTTTCTAGCTTCTCGCTTCTATCTCCCATGGTGTTTCATCAAACCCTTAATTT
AGGGTTTGTTTTTCTTCTATTTCTTGTGCGTCTTCTTATCTCTGAAGAAGAAGAAGTCAACAAGAATG
GCTTCCGTTTCAATCACTAACTTGATTTGGCCACCCCTTTCTCGCTCAAATCTGCCTGGTCGCCTTAACAGG
TTGAATGGTAAACCATTTTCGCGCGTTGTTTAGAAGCCCCAAGTGTGTTTTGGATACACCATATGAAGGTAATGT
CACAAAGTTCCCTCGAATTCGTGTTTGGGATCCATATAAACGCCTTGGTGTAAGTTCTGCTGCTTCAGAGGAAG
AAATTTGGAGTGCACGGAATTTTCTTTGCAGCAGTATTCTGGTCATGAAAGAAGTGAGGAATCTATAGAAGC
TGCTTTTGAGAAAATATTGATGGCAAGCTTCAGCATAGGAAAAAGACAAAGATTAATTTGAAAACCAGGTTG
AAGAAGCAAGTAGATGAGTCTCCACCTTGGATTAAGAACTTACTGAATTTGTAGAACTTCCTCCAAGTATGT
TATCTTCAGAAGATTGTTTCTTTTCGCAATTTATGGGTGGCTGGAGTATTATGAACTCGGCCGAAGGTGGACCTG
CTTTTCAGGTTGCAGTGTCTTGGCGGCTTGCATATATTTCTAAACGAGAAGACAAAAAGTTTGGCTCGAGCT
TCCATTATAGGATTTGGTTCTTGTGGTTCGTTGGGTATGCGGTTGTTGGTTGGTCCGAGTATTCCTTCGTT
TCTATTGCAGCCCGTGGTCACTCGAACTTCTACATCTCTAGTAGTATACTTTCTTCTTGTCTTTTCTGTACTT

>trans_s_12712NM_119746|Arabidopsis thaliana NRPB1 (RNA POLYMERASE II LARGE SUBUNIT);
DNA binding / DNA-directed RNA polymerase (NRPB1) mRNA, complete cds

CAACATCTCCGTCTTACAGTCCCACATCACCTTCGTACAGCCCCACCTCTCCAGCATATAGCCCCACCTCCCCTT
GCTATAGTCCCACGTCTCCAAGCTATAGCCCCACTTCTCCTAGCTATAGTCCAACCTCACCTAGTTATAATCCTC
AATCAGCTAAATACAGCCCATCGCAGGCATACTACCCAGTAGTCCACGGTTGTCTCCTTCAAGTCCATATAGC
CCAACCTCGCCCAATTACAGCCCAACGTCGCCATCATATTCTCTACTTCTCCAGCATATTCTCCATCCAGCCCG
ACCTACAGTCCTAGCAGTCCATATAATACAGGACCCAGCCAGACTACAGCCCTAGTTCTCCACAGTACAGTCC
AAGTGCAGGGTACTCACCTACTGCTCCTGGGTATTCTCCATCATCTACTAGTCAGTACACTCCACAAACAAGTG
ACAAGGATGATAGGAGTAGAAAGGATGATAGGAACAATCGATGATGAGAGTTCCAAAGCAAATATCCTTGAA
GGAAGAGGGTAATTTGTAAATGTCAGGCCCTCGAATTTCAAACGAGAAGAGGCAAATAAACAACCAGATACA
CCAAGGCAGCATGTTGCTCGGATTGGACACACTATTACATCACTTAGGCTTTTACAAGCTTGTTTCATTTCTGCTT
TGAAGGATCTGTCAAACATATTACAAGCAAAACTTATCCCTCACAATTTTAGCCATACGTTCCATGTAATTTT
GTACCCATGCCAAATAGTAGATCATTATTTGAATTAACCTGTATTTTGTGTGTTGATGTCGGAAGCTTTTAAAA
TGTTGTTCCCTTCTCAGATTAAATGATAATGTTTCTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
A

>trans_s_12713AB479109|Morus alba ureD mRNA for urease accessory protein ureD, complete cds

AAAATACTGACTGTGTAATTTTGAACTTCTGATTTTGAAAGTAGTGGACATTCCTCTATAATTGAGCCGAA
ATTGTTTTATTATAATGCAAATTTCTGTTTCCTTTGCTTGACGCGACGCCAGAGTCCATGGAAGTGGACGGTGC
GGTGGTTGTGAGAAAAGTTGCCGAAAAGTCCGCCGTACCAGACGCTTTTCCAAGTACCCCTCAAATTCATC
ATTCCCAGAAAAGGTCGGTCCCTCCAAAACGGATTGCATTTGGATTTACACCCTCAATTATGGCGGCGGCATTGT
CTCTGGAGATTCAATTGCGTGCGAGTTGACCGTTAAAGAGGGGCTCCACTGCAGTCCTAACCACTCAGGCTTCT
ACCAAGGTTTACAAGTCCAGGGGGAGAAGAACTCTCTGAACAATTATTNGGAGGCAAGGATCGGTAGTGATG
CTCTTTTGGCTGTACTTCCAGATCCAGTGACATGCTTCGCCACCGCAAGGTATGCACAGAAAACAAGTCTTTAGA
GTTGGTTCGGGCTCTAGTTTGGTTCTTGTTGATTGGTTTACGAGTGGGCGCCATGGAAGGGGAGAAATTTGG
GAGTTTGATCTTTTCAAGAGCAGTAATCAAATATTCCTAGAAGACGGCCATCCATTATTTTTTGATACGGTTCTT
CTAGAGCGAGGAGGCATCAACTCTATTATAGAACGGATGCATGGATATCAAGTCATTGCAATGGTTGTAATTT
TGGGGCCAAAGGTCAAGAACATTCGAGACCAAGTTTCGAGAAAATGTGAAAATGATGATGGGTGAAACATTAC
ACACACCTTTCACTTCTGCCGTGGCGCCCAAATGAAAATGAACTCTGATCATTGTGGATGAAACCTGAAATC
ATTGCTTCTT

>trans_s_12714EU189947|Medicago truncatula SINA3 mRNA, complete cds

AGGAACGGCGTCATTTTGAAATTTTCCCTGTCGTTGAGCTGCAATAACCTTCACTTTTTGGCGTTCGTATTTCC
TCCATGCGGTTGTTGAGTTTCTCCTTTCATTCTACCAAAACCTTACTTTTTCAAGCTTTCCTGCTTTTCAATC
ACTGTTTCCTCGCGATTTTAGGTAGAAGTATAAACTGGTCTCTTAAGAATGGCATCTGGAAGTCCTTATTTTG
ATGATTTGCGGAGCAAACCAGAGGTTATTGATCCTCCTCAGAATGAAGATATGATGGATATCAGAGAACTGT
GGACCATCCAATTCAAAATGAACTTAAACCGAACGTTGCTGTTTCCAGCAGTGTTCTGTGAGCTTTTGGAATGTC
CAGTGTGTTTGAATGCAATGTACCCTCCGATACATCAGTGTTCAAATGGACACACACTGTGCTCTGGTTGCAAG
CCTCGGGTGCATAATCGCTGCCCTACGTGTAGGCATGAACTTGGCAATATTAGATGCCTTGCATTGGAGAAGG
TGGCGGCATCTCTAGAATTCCTGTAAATATCATACCTATGGTTGCATTGGCATATATCCATATTACAGCAAG
GTTAAACATGAATCCCAATGTGTTTATAGACCATATAGCTGTCCATATGCTGGTTCCGAATGTTTCAGTCGTCGG
TGACATACCTATTTGGTGGCCACCTGAAAGATGATCATAAGGTAGACATGCATAGTGGAAGCACATTCAAC
CATCGTTATGTAAAATCAAATCCTCAAGAAGTTGAAAATGCAACATGGATGCTAACGGTTTTTCAGTTGCTTTGG
TCAGTACTTTTGTCTGCATTTTGAAGCTTTCCAGCTTGGGATGGCTCCAGTATACATAGCTTTTTTACGGTTCAT

>trans_s_12715AF139499|Prunus armeniaca p85RF mRNA, complete cds

CTCCATCCTAAGCCTAAACGAGCAGAGCAGAGAGAAGAAACCTCTCCCCTTTTTCTCTCTCTCTCACTCTTTC
AAAAAGGAACTCTTCAGCTGGGGTTTTACTTTTCCATGGGATTCTGAGTTCTTCCATCCACATCCAGAATCGAG
ATTCTCTCTCGGAGATATCTTTCCTCAGACTCTAAAAGATGGATCCCCATGATGAGGCTGGATGCCAAGCTCC
CCCGGAAGGGCCCTTCTCTGTATCAACAACGTGGCTTCTTTGGTAGTGCAGCCACTATGAACATGTGCTCCA
AGTGTCATAAAGATATGATGCTGAAACAAGATCAGGCTAACTTGCTGCTTCATCTATTGAAAATTTTGTCAAT
GGATCGTCTAGTGGCAGTATGGAAGTACCTGAAAGTGTTACTGATGGTGCCGTTTCTGTGGAACCGAAGACT
GTTCAAGCACATGCACTGCCTGCAATGGGATCTGTGGAAGGTGAGAAACCAAGTGAGGGTCCAAAACGTTGC
AACTCTTGCAAAAAGCGTGTTGGTTTAACAGGCTTCAATTGTCGGTGTGGTAATGTATTTTGTGCAGTTCATCG
TACTCTGACAAACATGACTGCCCCCTTGATTATCACATGGCTGCGCAAAACGCCATATCCAAAGCCAATCCTG
TTGTCAAGGCTCAGAAGCTGGATAAGATCTAGATTTCTTTGGCATGTATGTGTCCTAAATTGATGTTTCATATC
CAGCTGTGAGATGGGCTTATGATATGCTGCAAACTATGTATTTTTGCTTTATGTTTCATATATATGTTGAAGAG
ATTGCACAGAAAATATATATGAATTCTGAAAGTTCTATTTGCTTTGTGATTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_12716XM_002875256|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata plastid-lipid associated protein pap,
mRNA

GCAAAAATAGTAACGGTTTGTTCCTCAGCAGATAAAAAATGGCTATGGCTGTGGCCTTATCTTCATCTACAGTT
ACTCCGACCGCCAAATTCTGGCCTCCTTCAACATCGCAACCACCCAGGTTTCTTCCTATTATTCCCTCAAACCCG
TCTTCGAACACTAACCTCCTCACTTCTTCACCTTCTCACAAGTGGAGGCTCAGGATCTCTTCTTCCTGCCTTTT
TGAACAAAGGAAAAGGAAATAATGTTACTGCTCTTAAACAGGAACCTTCTCAGGCAATTGCCCCCTTGATCG
AGGAGCTGAGGCCACTCCTGAAGATCAGGAAATGGTTGATCAGATATCACGCAAGCTTGAAGCAGTCAACCC
TATAAAGGAGCCACTCAAATCTGATTTACTAAATGGAAAATGGAAGCTCATATATACTACTTCCAGATCAATTC
TGCAAACTGAGAGGCCCAAGTTTTTGGTCAAGAATAAACTATCAAGGAATCAATGTAGATTCTCTCAGAGC
TCAAATATGGAATCTTGGCCGTTCTTCAACCAGGTCACAGCAGACTTGAAGCCTTTAAATTCAAGAAAAGTA
GCTGTTCAATTTGACACATTCAAATTTCTTGGTCTGATACCGGTCAAAGCACCTGGAAGAGCCCGTGGTGAAC
TGGATATCACATATTTGGATGAAGAGTTGCGAATATCCAGAGGTGACAAAGGGAATCTCTTTATCTTGAAGAT
GATCGATCCTTCTTATCGAGTACCTGTATAACACTTTAATCTCTCTACTTTACTAGTAGTATCCTTCTAAAGCCTG
ATGTCTAAAGCCTGATGAAGCACTAAATCAGAGTGAATATTATGTTATTGTAAATTGATTCTCCTGATATCCTC
ATAA

>trans_s_12717XM_002305511|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC074),
mRNA

AAACACATTTATTAATTATTAAGATCACAGCTTATTCCATGGCGGACAAAGCTCATCATCATAGCTTCCATGGC
CAACTCCCTGGCTTTTCGATTCCACCCAAGTGAAGAAGAGCTTCTTGAATTCTATCTCAAGCAAATGGTTTTTGG
GAAACGCCGCAATAGCTTCGATGTTATTGGATTTCTCAACATTTACCAACACGACCCTTGGGATTTACCTGATT
TGGCGAAGAATGGTGAGAGAGAGTGGTATTTCTTTGTACCAAGAGATAGAAAGCACGGTGGTTGCGGCGGG
GGACGGCCTAATCGGACGACTGGAATTGGGTACTGGAAAGCCACGGGGTCGGACAGGAGAATATTGAGCTT
GTCCGATCCCAAAAGATTTATTGGTTAAGGAAAACCTCTGTTTTCTACAAAGGAAGAGCTCCTAGAGGAACC
AAGACTGATTGGGTGATGAACGAGTATCGTCTTCTCATAATTCCTCTCTTCCAATAATGGACATAGTGCTGTG
CAAGATCTATAGAAAAGCAACATCATTGAAGGTGTTGGAGCAAAGGGCAGTGGAGGAAGAGACAAAGAACT
TGCATATGAATAATAATGCTACAATACTATTAACACCTCCATTAATGGGTGAAGAAGAACAAGGTGATGATCA
AGACTCATTTTGCATCAAAACATTCCAAGGCTGAATTCAAGTGAAGTAATGGCAATGAAATTAGAAGAGATA
AGTTGTGGGGAAGATGAAGAAGAAGTCGATTCAAAGGTGGCCGACGTAGGGTCATCTTCCTTGTGCTTGTGCG
ACAACAAGCATACAAATTCAAAAGGGTTGGCATGCTGACTGATCTTTCAGTCCAAAGATGAACATGGATTG
GGACTCAGACCAGTTTT

>trans_s_12718NM_001060972|Oryza sativa Japonica Group Os05g0110000 (Os05g0110000)
mRNA, complete cds

AGGATTTTTCATCTGCTGCGAATCCTCTCTCCTTGAAGAAGACCGAAGCGTTTATGAACAAGTTCGCTATCTTTT
CTTCCTTTCCAGGGAGGTGAGTTTCGGATTCTTAAGTTTATCGGCGTTCGTTGATTTTCCAACGTCGAATTCTAA
TCGATGCAATTGCTTTATGTGGGTTTCGGGCCAGGCCTTAGATTCCGTCTGTTGTAGAATTTAGGTCGTTGCCT
TCTCTGTATCCGTTGTTTCATCGATTTCTGCTGCTGCGATGTACCACGATGATGCTTCTGGCCCAAACCTTCT
TTCGTGCCAAGATTGCGTCGAGTGGAAGAAATGGTGAGGATCGCTCCCTTCCAATCGTTTCATTGTGCTGC
GCGATCCTTCTAACTCGGGCGTTGTTAGTAATAATGGTATTGGAGCTGGAGGAAATTATGAGATTTTCTGTGA
CGATGGTACTGGGGCGAGCCTTCGTCTTTACCTTCCAATATATCCGAGTTCCTTGATGGGATCGGGGTTTCGATC
GTCTTCTCAATCAGTTGGCGGAACTGGAGGTGAATGCGGTTAGCCCATTGGAAAACCCACCGGCTTCGAAGG
CTGCGATTGAATCTTGTGCTGTGGTTAAGATTCTTGCTAGCCATGTGCCTATGGAATCACATTGTGCGGTCTGT
AAGGAACCATTTGAGCTCGACTCTGAGGCTCGAGAGATGCCGTGTAAGCATATTTACCATTTGGATTGTATAC
TCCCTTGGCTTTCTATCCGGAATTCATGTCCTGTTTGTGCGGCACCAATTGCCTACCGATGTGCATAGCAGTGGA

AGGAACTCCCCTGCTTCTGCTGAAGAAGTTGTTGGACTAACAAATTTGGAGGCTCCCCGGTAGGGGGTTTGCTG
TTGGA

>trans_s_12719XM_002307948|Populus trichocarpa tubulin folding cofactor (TFCFB), mRNA

AGTGAGGATTGTGCTAAAGTCATCAAACGACTCTCAAATGAGTGTCTAAGTGAAAAGAAGCTGCAAAGAAC
ACAACTATGGCGTCTCGATTGCAGCAGATCGAAAAGGATGAATCTGTGCTCTTGCCTGTACCCATGCCAATC
TCAAGTCCTTCACATCCGATGTTTCGTTTTCCCTTCAGATGAGCGTGGAGTCTGTCAAGGAAAAATTGTGGAGA
AAATGTGGTACTTCTGTGAACTCTATGTGCCTCGAACTCTATGATGATTCCGGTTCTAAAATTTCCGATTTGAC
GGATAATTCCATTCCCTTGGGCTTCTATTCTCCCTTAGATGGGTACCGGCTGCATATTATTGATCTTGACCCCTC
ATCAGTTACTTCTGGTGGTTGGCTTGAAGATACCTCCCTAGTGGAGAAGTTCCAGATCTCTGAAGAAGCCTAT
GATAAGCGTGATGACACATTTAGAAAATTTAAAGAAAAATTGGCATCCCAGAATCCTTCAGCGTTTGAGAGTA
AAATATCTGATAACTACATGGAAGAGCTCTGTGCAAATATTAAGGTTGGTGATAGATGTCAAGTTGAACCTGG
GGAGAAACGGGGTGTGTGAAATTTGTTGGTGGGCTGAATCGCTTCTCCTGGTTTTTGGGTTGGAGTTCAA
TATGATGAACCATTGGGAAAAACGATGGCACGGTAAAAGGGATCCACTATTTGATTGCTCTCCTCTTCATG
GTGCGATGGTTAGGCCCCACAAAGTGAAGGTTGGCAACTATCCTGAACGGGACCCTTTCGACGATGAAGAAG
ATGAGATATGAACAGTTCATACTCAGATTGGTATTTGTAGCATTGTGGAAGTACCAACCTACTTTCTGAAGC
CTTGATGAATT

>trans_s_12720FJ388876|Juglans nigra KNAT3-like transcription factor mRNA, complete cds

ACCCATTTACAAAATAATTCCTTCTTCTCCCTCCATCTCCTTTCTCCCATGGCGTATCACAATCACCTCTCTCA
AGACCTTCTCTTCACTTCTCTGACCACCACCACCAAAATCAACCTCTCTCTGATTCTTCTCTCTCCGTAACATT
CTGCCGGACCAACTTCCCGCCGGCCACACCTCGCCGGACCCCAAGTCTCAACAACCCCATCATCACCACCATCA
TCAACACCCTCTTCAGACCGCCCCAATTGGCTCAACAACGCACTCCTTCGTAACCAAAACCCCATCTCACTT
CTCTACCGACACCGCCACCACCGCCGCTGCTGCTAATACTAATTCCTCAACCTTCATACAACCTGCATCTGATTC
TACCGTTTCTCACTCCTTAACCAATGGCTTCCCGTCCGATTCTTCACCGTAACCATAGCGATGTTATAGATGA
TGTCGCCGCCCGCTGCCGGTGATGCTATGATCGGTGCTGCCACTGCTGCGCTGTCTCATGATTCTGGTGAC
TTGAAGAACGATGCTAATAGTGGTGATGGATTGAATAAAAGTGAAGGTATGGTGATGGAACCTGGTGCGGG
TGGAGAAGGGGTTTTGAATTGGCAACATGCTCGTTATAAAGCTGAGATTCTTGCTCATCCTCTTTATGAGCAG
CTTCTCTCCGCTCATGTTGCTTGTCTTCGTATCGCGACCCCGGTCGATCAATTACCGAGGATCGACGCTCAGCT
CGCTCAGTCTCAGAATGTCGTGCGCAAGTACTCCGCCTTGGGCCACTCGGCTCCACCGTCCATGGTTGGTGAT
GATAAAGAGGTCGATCAATTCATGACACATTACGTTCTTTTGCTTGTTCATTCAAAGAACAACCTCCAACAACA

>trans_s_12721NM_099991|Arabidopsis thaliana PDH-E1 ALPHA (PYRUVATE DEHYDROGENASE E1
ALPHA); pyruvate dehydrogenase (acetyl-transferring) (PDH-E1 ALPHA) mRNA, complete cds

ATTCGTCTCCCTTCTCTCTCTAAATCCAATACTCGTTGTCGATCTTCCCCACTGTTGCCGTTTCCGATGTTGTC
AAGGAGAAGAAGCTCAAACCCAGTTCCAATTTGCTGATTACAAAAGAAGAGGGTTTGGTACTCTATGAGGAC
ATGATATTAGGCAGAGAATTTGAGGATATGTGTGCACAGATGTATTACAGAGGCAAAATGTTTGGTTTTGTTT
ACCTTTACAATGGCCAAGAAGCTGTTTCCACTGGGTTCATCAAGCTTCTTACACAGAGGGATACTGTAGTAAG
CACTTACCGTGATCACGTTTCATGCTATCAGTAAGGGAGTTCCATCTCGTCAGGTCATGAGTGAGCTTTTTGGAA
AGACCACTGGGTGCTGCCGTGGCCAAGGTGGCTCAATGCATATGTTCTCAAAGAACATAATCTGATAGGGG
GCTTTGCCTTCATTGGAGAAGGCATACCAAGTGGCCACCGGTGCTGCATTACATCTAAATACAAGAGAGAAGT
TTTAAAAGAGACAGACTGTGAAGATGTGACATTGGCATTTCGCGGGATGGAACCTGCAACAATGGCCAGTTT
TTCGAGTGCTTGAACATGGCAGCTCTGTGGAAATTGCCAATCGTATTTGTTGTGGAGAATAATCTTTGGGCAA
TTGGAATGTCCCATTTGAGGGCTACTTCAGATCCTGAGATTTGGAAAAAAGGTCCTGCGTTTGAATGCCTGG

TGTTTCATGTTGATGGTATGGATGTTTTGAAGGTGAGAGAGGTTGCAAAGGAGGCAATTGGAAGAGCCAGAA
GAGGAGAAGGACCTACTCTCGTGGAATGTGAACTATAGGTTTAGAGGACACTCTCTGGCTGATCCTGATGA
ACTCCGTGACCCTGA

>trans_s_12722XM_002873177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T-snare sed 5 (SYP31), mRNA

ATCTTCAATTTCAATCCAATGCCTTGATTTTTCTTCTTCACCACCACCACCACCAGCGGCAAATGGGTTCCG
TCTATCGTGATCGGACGTCGGAATTTCTTCACTATTGGAGACGCTGAAGAAGATTGGCGGAGCCACATCCGC
CATCAATCAAACCTCAAAATGAACCATCGGCGTCTATACCCTCCGGATCACCGGCCTTTGCACGATCAGAATTCA
GCAAAAAGGCCTCCCGTATCGGATTAGGAATCCAAGATACCTCTCAGAAGATCGTGAGGCTCGCTCAGTTGGC
GAAAAGATCATCAATGTTTGATGACCCAATCAGGGAAATACAGGAAATGACTGCTTTGATTAAGAATGATATT
ACATCCTTAAATGTAGCTATCACAGACTTGCAAACCATCCATAACATGGAGACAACAGAGGGGACTTATTCAG
AGGATAGAGTGGTTCATTCAACAGCTGTCTGTGATGACCTGAAGAGCAGACTTATGGGTGCTACAAAACAGC
TACAAGATGTGCTAACCACGAGAACAGAGAATATCAAGGCCAATGAGAGCCGGAGGCAAATATTTTCTGCAA
ATGCATCTAGGGAAAGTCTTTTCAAATCAAGCCAAAGCTGTAACCTCAACCTCCACCATGGTCAAGCAATACA
TCTGGAAGTGCTCAATCATCACTGTTGTATCAAATGGAGCTCAAGTTGGGGGTCAATTGAGACGAAGGTTAG
CTGTGGAGAACATGAACACCCCATCACAGCAAATGGAGATGTCGATGTTACAGCAGGTGGGTCTAGGCAGG
AAATTATTCACAAAGTCGTGCAATTGCTCTCCATAATGTGGAATCCACATATCAGAACTCAGTGGGAATTTTTC
ACATCTTGC

>trans_s_12723NM_001066990|Oryza sativa Japonica Group Os07g0645400 (Os07g0645400)
mRNA, complete cds

AGGAGGATGGGATAACTTGCTTGCTGTTATTTCCCGGAGGTTCTTCGGTTCATTGCTTCCCAAGCATATATGTG
ATGATGTTCTCATGGATTATGATGCACTAAAGGCTGTCCAGTCTGGATTGGGCACTGCAGCTGTAATAGTTAT
GGATAAATCAACGGATATTGTGGATGCTATTGCAAGGCTCTCTATTTTTACAAGCATGAAAGTTGTGGACAG
TGCACTCCCTGCAGGGAAGGTACGGGATGGCTATGGATGATAATGGAAAGAATGAAAGTTGGAAATGCAAA
GCTGGAAGAAATTGACATGCTACAAGAGGTTACCAAGCAGATTGAAGGGCATAACATTTGCGCCCTTGCTGA
TGCTGCTGCTTGGCCTGTGCAAGGTCTTATAAAGAATTTTAGGCCGGAGCTTGAGAGAAGGATTAGAGAGCG
TGCAGAACGGGAGTTGATCCAGGCTGCTGCATAGGTATTCTTTCAGGAAATCCAACCTTGATGGGAATTGCA
AATAATGAACTGCCCCAGATATTTGGTGTGTTCAAGCGTCTGGAGGTCATGTCTGCATTTTGTTTGCTATTTT
AAAATGACTTATCAATGCCCTTAAGAACTCGTTTCCGGTTTTTGAAGTGGCTTTTGAGGCTAGAATTATTAAT
ACACATATTTTTTTTTTTTTATTTAGTGTAATTTGAATGCCTCTCTTAACGCCATTTAATGGTTGGATACCTCTATG
ATTATTTCTTGTTGTGTTACTCTTCTGAACAGAGATTTTATCTCCCTGTGGAACATCAATAAATGGGAAAGTTAA
ACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_12724NM_112189|Arabidopsis thaliana methyltransferase/ nucleic acid binding
(AT3G13440) mRNA, complete cds

AATCGCTACATGAAAAACCAATTTCTTACCCATCACTTTCCCCACCCCAAGATATCTTCTCCTTTCCCCATTG
TATGTGTCTCTTTGCTGCAGCTTTTCTTGGCCGTCCAACACTCAATCTTCTCGATACTACTCCTTGCTTCCCAT
CGCCGACCATTAATCACTCTCTTCGGTCTTTCGGTTGGTTTCCATTTCCTCACAGCAGTTTTCTCCTTTCCTGGT
CCGGCAGATGTCCTCTTTAGAACTGCACAAATTCACCTAGTGAGTTCTCATCGTGAGGCTTATGAACCTGTG
ATGATTCGTTTGCTTTGGTTGATGCACTGTTAGCTGATCGAGTTAAATTGTTAAATCATAATCCAACATTCTGCT
TGGAATTTGGTTGTGGTAGTGGCTATGTTATAACATCGCTTGCTCTTATTCTGGGAAAGGAAGCTTCTGCAACC
CATTATATTGCTACAGACATCAATCCTCATGCAATTAGAGTCACTCAGGAGACTCTAGAAGCACATGGGCTTCA

TGCAGAGTTGGTATGCACTGACCTTGCATCTGGTTTGGAGAAGCGACTGGCTGGATCAGTTGATGTGTTGGTT
GTGAATCCACCCTATGTTCCAACCCCAGAAGACGAAGTGGGTCAGGATGGAATTACTTCTGCTTGGGCGGGA
GGGGAAAATGGTCGCAGTGTCAATTGACAGGATATTGCCTGTTGCTGATGTCCTTTTGTCTGATAAAGGCTGGT
TGTACATGGTTACTCTTACAGCAAATAATCCCTTTCAGATATGTCTTCAAATGAGAGAAAAAGGATATGCTAGT
AGAATTGTTGTGCAGAGATCAACTGAAGAAGAGAGTCTTCATGTGATAAAGTTTTGGAAGGATGCTGATC

>trans_s_12725XM_002885086|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2083, mRNA

GTAGGAATATATATGTCCTTCTCCAGCTCGGGCAATGACTTTTGCTATCACAGTATCGCTGCTAGAAATTTGTG
AAACCTTGATCACAAAACCTTTTAGGACACAGTGATAGCATTAGTTTTTGAATCCACGTTTATGAGCTGTTACT
GCCTACGGGTATTTTCTTTTGGTTTTTCTTCATCATTTCTTCATCAAACCTTGGCCCGTTTGGCAATTCGAAGGTCA
ATGATACTTGGAGACATTGGTTTAATCGAGCCATGTAACCTTGACAAGATGGAGGAATTCTTGTTTTGATAAACT
TTTCTTTCGAATAAGACCATCAACCACCGCATCCATAAGCTTTCTGTTTTGTTGCAAATCTCTTTTGCACGCTC
GTAACAAAAGCTCAAAATCCGCAAAGCTTCCAAATCAATATCATTGATTCGATCTGCAACCCAGAAGTTTGATA
CTCCATGATGTTTCTCGGAGAAGCCTCCAAGGACAAGGGTTCTAGCAGCTGATCTAGCACTGTCTGCGGTTTC
AGCCCAGATTGTACTCAACTGGTCTTCCCCATGCCAGAGCTCATCTGCAGCACGTGGTGCTAGTTGAACAGTTA
TACGATTCAAGAGGGGACTGGCGGGTAAACATTCTTCATTGAACGTTATGGCATTCATTTTCATCCGAACATAA
CCCAATTCCCTACCAGCTCTAGGTGCAATAGTGACAAATTCAATATTTCCAATATCAGGAAAGTTCACGCCCAC
AACAGCCATTGCTGCTTCATTAATGGCCACTTGCTTCCATGTGTCTGGGCTTCTTCTCTCTATCTAGCATTCCC
CTTCTTCTATTTGAGCAGCTTGCAATAAGTCATCGGTTGTAATCTCAGTTCTTCCCTCATGGATCAT

>trans_s_12726NM_104990|Arabidopsis thaliana ATRBL2 (Arabidopsis thaliana Rhomboid-like 2);
serine-type endopeptidase (ATRBL2) mRNA, complete cds

CCACCGACTGCTACATATATAGAGAACTGCGAACCAAAATCAAAATCCCCAATCAATTCTTCAAAAATAAAAAA
ACCCATTAGAAGTTTCTTCAAGAAAAAACCCCTTCAATTCTCTCTTCCATCATTGAGAAACCAAAGCTTGAAGCT
TCAATAGAGAAACAGAGTGGAACATATGTCGAATCAAGATCTCGAGCGAGGAGCAGCTAAGAATCCACCCAAT
ACTAACCCAAATGCTAACTATTCATCTTCTTCTTACTACATAGAGACTTCTGAGAAGCAATGGACGCCTTGTT
GGTTCCTATGTTTGTGTTGGCTAATATTGCTATGTTCAATTGTGGTCATGTACGTCAATAATTGCCCTAATTCTAA
TCTGGGTTTTGGAGATAAGTGTGTGGCTGGGTTTCTTGGACGTTTTTCGTTTCAGCCTATCAGGGAGAACCCCC
TCTTGGGGCCTTCTTCCAATACATTGGTGAAATTGGGAGCTCTGAAGTGGAATAAGGTTGTTACGAGCATCA
AGGATGGAGACTTTTCTTGTATCTGGTTGCACGCTGGAATCATTATCTTCTTGCTAATATGTTGAGTTTGGT
TGTGATTGGAATCCGCCTCGAGCAACAATTTGGATTTGTGCGTATCGGGATAATATACCTTGTGGCTGGAGTT
GGTGGGAGTGTGATGTCTTCTCTTTTCATCCAAAACAATATTTCTGTTGGTGCTTCTGGTGCCCTCTTTGGACTT
CTTGAGCTATGCTATCCGAGCTTTTGACAACTGGACGATTTACACCAAAAAGGCTGCTGCACTCTTCACCTT
CATAGTCATCATTGTTATTAAGTCTAGCAGTTGGGATTCTACCTCACGTTG

>trans_s_12727AF402604|Phaseolus vulgaris homeodomain leucine zipper protein HDZ1 mRNA,
partial cds

TCGGTTATTTATTTTATCCATCATGGTGATCATGATTAATAATAATTAAGATATATGAAATTCATTTTTCT
TTTTTTCTCTCTGCCATCCCCTTTAAAGGTTCTTCAAAGGTTCCATCTGAATTTCTTTTTCAGCTAAATGCTTGG
GTTGTGTTTCCAAGAAGAAATTCAACAAATGAAACCCATCATTTTGGTTTACCATAAACTTCCACCATTTTCC
CTTTTGTCTTCATTTTCAAGTATCATGAAGAGATTTAGCCACTCAGATTCCTTAGATTCCTTCATCTCCTTCTT
CTCCCCAAAGATCAGCAACCGAATTCCAAAGCCATAGGTGGTTACAGCAAGGAGTTTCAAGCAATGTTAGAC
AGTTTAGAGGAAGAAGACAACAGCGAAGACGGCGGGAGCAGTGGCGGTTTCGGCACCGGAGAGGAAACGTC
GGCTGAAACTGGATCAAGTGAAGGGTTTAGAGAGACATTTTGAAGTGGAACAACTCGAACCCGACAGAA

AAATGAAGATCGCAGCTGAATTAGAACTTGAACCAAGACAAGTTACGATTTGGTTCCAAAATCGAAGAGCTCG
ATGGAAAACCAAGCAATTAGAGAAAAGATTATGGAGTTCTTAACTAAATTATGATGCTCTTAACTTGATTAT
GATGTTCTTGAAAAAGAAAATGCTTCTCTTGCTTCAAAGGTGAAAGAGTTGAGGGAGAAAAGTAAACAGAGCG
ATGAAAAAAGGGTCAATGGAGAGAGATGATTCAAACAGAGATGGGAATAAATCGTATATTTCAATGTTGAAG
AATAATAATAATCAAATCCATTTACAAAGGCTATGAATGAAGATCAAAGTTTGGTTA

>trans_s_12728EU931215|Rheum australe ribosomal protein L36 mRNA, complete cds

AAGTTTGCAGTAGAGAAAAGTGAGAATTTTGGGGGAGAGAGAGAGAGAGAGATACTATCGCCAATCTAGGA
AACGAGTTGAAGCCATGATGATTA AAAAGAGGGATAGGGTTTCGATTTGGGTGTGTTGTGGAATCGGATAAAA
GTGTGAGAGGGACGAGAGATGGAGAATAAAAGTGATGAAATGGTGAGTTTGGCGGATTAGTTGCGATCAGT
TTTTCTTTTTTTCTTTGGTATTTTTTTGTTATCGATAAGAACAGAATCAAAGACCCCCACTCTGCGTTGATACC
ACTGCTTACGGCCGGGGACCTAGGTCGTCAGATTCATCGGAACAGGTAATGGCTCCAAAACAGCCGAATAC
TGGCCTTTTTGTTGGTCTTAACAAGGGCCACATTGTCACCAAGAAGGAGTTGGCCCCAAGGCCCTCTGATCGT
AAAGGAAAATCAAGTAAAGAGTCTCTTTGTCCGGAGTTTGATCCGGGAAGTTGCTGGTTTTGCCCATATG
AGAAGAGAATCACTGAGCTTCTAAAAGTTGAAAGGACAAGCGTGCTCTGAAGGTAGCCAAAAGAAAGCTTG
GAACCCAAAAGCGAGCGAAGAAAAAGCGTGAGGAAATGTCCAGTGTTCTAAGAAAGATGAGGGCTGGTGGA
GGTGCTGAGAAGAAAAAGTGAGATCCACACTTGCTCATTCAACGTCGTGCACTGTGGCTGCTCATTTTTG
TTTGTTTTAGGTTTCAATTTGTTGGAGACCGAGACCGAGCTCAGGCTGATGATCAATTTAGTTTTGTGATGGT
GGAAGTTGGTTTACTAAGACCGAAGTGTGTTAGAGCCCCGGTTGTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12729NM_116716|Arabidopsis thaliana MED21 (MEDIATOR 21) (MED21) mRNA, complete cds

TGACTGATGTTCTAAACTAAAATATTAGGAAGGTATAAGGAAAAGGACAGAAAAGAAGGAACCTAATTCA
TCTGCTTCTTCTCCGTCTCACGTTCAACCGCCCAGCCCCTTCCTTGCCTCTCCGGTAGTATCTCGATGACAGTCCT
TTGAGATTAGCGGCGGATCGTACTCTCACTCACTCAGTTTCTGGAAGTGATTTGCTGATTAAACGGAGCAATAT
GTGTATTATTTGCGGAATCATCTTCTGAATTCTTCTAGGGATAAGGTTGAAGATGGACATAATTTCCCAATTG
CAGGAACAAGTTAACACAATTGCTGCTTTAGCTTTCAACACATTTGGGACATTGCAGAGAGACGCTCCTCCAG
TTCGTTTATCCCCTAATTACCCCGAACCACCGTCTCAGGAGCCTACAGAGGATAGTGCAACCATCGCAGAGCA
GCCCAAGCTTATGAGTGCCGCTTTGGTGAAAGCTGCCAAGCAGTTTGATGCACTGGTTGCAGCATTGCCTCTA
TCTGATGGAGGTGAAGAAGAGCAATTGAAAAGGATTGCAGAACTACAGGCTGAGAACGATGTTGTAGGTCA
AGAACTTCAAAAGCAGCTACAAGCAGCAGAGCAAGAATTAGTACAAGTTCAGGAGCTGTTGAGCCAAGTAGC
AGATAATTGCTTGAAGTTAAAGAAAGCAGATTGAAAGAGTGGGGGAAGTTTCCTATGCTACCAATGTATGGA
AACTTTCCGCCTTCATTTCTGCCACATGACTCTTTGTTTTATATTACATATATGTAGAAATATACGTGATTCTAC
AGTTTATGGAAGAAAATAATTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12730NM_120657|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein (AT5G05750) mRNA, complete cds

AAACGCGTCGTCCATCGACTTAAATACGGTCTCAATTTCCCAACTTTTCTCCTTCCATGAAGCTCTACAATCCC
TAGATTTCTCTATTCGGAGCCATCCATATCCATGCGGTTTCATTGACGACATCTTACAGTTTCTCAATCGTCTTCT
TCACCACCATCTGGAATTGCGGTTAGGTCTTTGCGATTTTTGTGATGGAGGGTAATAAAGATGATGCTTTGAA
ATGTTTGAAAATTGGGAAAGAATCTTTGGAAGCTGGGAACCGTACCCGTGCCCTAAAATTTGTGAATAAAGCT
CTTCGTCTTGATCCGACGCTTTCCGTTGACGATCTCTTATCGGAAATTCAGAACGTTTCCAGTGAAGATTTAGG
TGGGGATGCTGGTGAATCTGGGAATAGGTCGTCTGATACCTCTTCTTCAAACCGTCCGATCAGCCTTCGATTG
GCCGGAGAGTTCCTGCATCCGGGTCTTCTGAATCTTCGACATCGGCAATTTATACAGAGGAGCAGATTGAGAT

TGTGAGGAAAATAAAAAGAAGAAGGATTATTATGAGATTTTGGGATTGGAGAAGAGTTGTAGCACTGAGG
ATGTTTCGAAAGGCGTATAGGAAGTTGTCTTTAAAGGTTTCATCCAGATAAAAACAATGCCCTGGTGCTGAAGA
AGCGTTTAAGGCTGTATCGAAAGCGTTTCAGTGTCTAAGTAATGAGGAGAGTCGGAAAAAATACGATGTTGT
TGGGTCTGATGAGCCAGTTTATGAGAGACGGAATAAGACATGGTGCAAATGGATTTAATGGGTTTTATGA
AAGTGATGTTGATGCAGAGGAGAATTTAGAACTTTTCTTCGGTGGAATGGCCCC

>trans_s_12731BT012148|Arabidopsis thaliana At2g15730 mRNA, complete cds

ATTCCGCAGAAACCTTCTACGCAGAATGATCTCAGTACTAGCGAATTCTTATGATCGAGACGCCAAGCTATTGA
ATGGAACCCACAAGTCTCACGTGCATTCAAATCACGAGGCAAATATACTCGCAAAGTACAAACCTTTAATTAAT
GCCACTCTGTTGATGCCCAATTTGAGGCAAGTAGAAGATACAACAATAAGCATTGGAGTACTTCAAGAGCA
CCCGACACATTGTTTTGTATTACGAAGATGTAGTTAAAAACCGCACTAAATTAAGATGTTCAAGACTTTCTA
AAGGTTCCACGAAGGAAGTTGAAGAGTCGTGAGGTGAAGATACACCGTGGTCCATTGTGAATCAAATCGAG
AACTGGGAAGATGTTGAGAAGGCACTTCGGGGAAGCCGATACGAGAACTTTTAAATGCAGACTACCGGAAG
TAACGTACGAACTGAAGAGGCAGGCAAGCAAGCTAAGAAGGTGTATATAGAGCATCATTTTTGTCCAT
AAGTAATCACCAACAGGAGGAGGAATTGAGGCATCCTTTTTGTTGCAATTTTGGCTTTGGCACAATGCCAAT
TTTGTGTTTTTTTATAGAGATTTAACTCTCTGTCTTTATTCTCTATTCCTTTTTCTTATTTCTTTTTGT
CAGTTCATTCTTTAACATCTTCTCTCTCAAATTGGATTCAACATTTTTTAACACCACTAATCATGAGAGAAG
TTCCATAATTTTTTTTTTTTATTGTATGAAATGTAGCCTTTGTTTTGTTTTGAGAAGGGGGATTGTAAAGACC
ACAGACATTTTTTCCCACACTTGTTATTGGATCTGAAGAAATTTGATT

>trans_s_12732NM_001066661|Oryza sativa Japonica Group Os07g0585800 (Os07g0585800)
mRNA, complete cds

ATCGACCGATGGCTAACTCCTTGACGCAATCTGGAGCCACGGACGTGCTCTTCGGAGCACAGTGGCTCCTCT
TTCCAGGTCATTCTCCACCGATTCTTTGGTTCAAGTCAAGCCCGCGAGATCGGTATGGTTTCTGGAATTCAG
AGGAACATCTTACCAGAAGGGTTGTAATTTACTCTCTGCTAGAACTGCATCCCAACAAGGATCAGGCAAGGT
TGGCAAGTGGAAAATCAATTTTGTGTCAACACAAAAGTGGGAGAACCCATTGATGGGGTGGACTTCTACTGG
GGATCCCTATGCCAATGTAGGGGATTCTGCACTGTCTTTGATAGTGAAGAAGCTGCAAGGCATTGCTGAG
AAACATGGATGGGAATATGTGGTTAAGAAGCGCCACACACCACTTTTGAAGGTTTGAAGTCTTTCCATTATT
TCGATTTCACTGAGCTTGTTAATTGTCTTTTTAGTTGGATGCCCTCCATAGTGCCCACTGAAGTATAGAGTG
ATTCGTCCATTGAGCTTTCTGTCTTATTACAAGCGTCAACTATTTCCAAGGAATTAGCCCTTTGTTGAATTTAC
ACATTTGATCAATGCAACTTCTTTCATCATCTTTAGAAATTTGCTGGCGTTTTTTGGCGAAGGCGTACGCAGAC
AATTTCAAATGGAAGGGCCCTCCTGCTGAAGCCAAGGAGGCTTAGACCTTGTTTGACACTCCTTCTTATCTAA
TTGGAGGCTAAACAGACTGGAGGGTTTGCCTAGTCAATTCGTTGCTTATTTTTGAGGAAGTTGGTTGTAATA
AGTGAGAACCGTGGTGTATACTCACTTGAC

>trans_s_12733NM_129283|Arabidopsis thaliana ATRPS5B (RIBOSOMAL PROTEIN 5B); structural
constituent of ribosome (ATRP5B) mRNA, complete cds

AACACTTCAGCCGCATCGTTCCTCTCTAGGGCCATAGAGAAACCAGTCCGCCATTGCAGCGCTTAATAACC
TTTCTCCTCACTTTCTTTATCCTTGCCTCACTACTACGGAATAATGGCTGTTGAAGTTGATGTGGCAAGCCA
GGAAGTACCCAGTCTCATCACGATGTGAAGCTGTTCAACCGCTGGACCTTTGATGACGTCCAGGTGAATGAC
ATCTCTTTGGTTGATTACATTGGGGTTGCACCTGCCAAGCATGCCACCTATGTTCCCCACACTGCTGGGAGGTA
TTCTGTCAAGCGCTTTTCGGAAAGCTCAGTGCCCAATCGTGGAGAGGCTCACAATTCACCTTATGATGCATGGT
AGAAACAATGGGAAGAAGCTTATGGCAGTCCGATTATTAAGCATGCAATGGAGATCATTCATCTTCTAACTG
ATCTCAACCAATCCAAGTTATCGTTGATGCTGTTGTTAACAGTGGGCCTCGTGAAGATGCTACACGAATTGGT

TCAGCCGGTGTGTAGGCGTCAGACTGTGGATATATCCCCTCTGCGTCGTGTTAACCAAGCAATCTATCTCCT
TACCACTGGTGCTCGTGAGGCTGCTTTCAGAAATATCAAGACAATTGCAGAATGTTTAGCTGATGAACTTATTA
ATGCAGCAAAGGGTCTTCAAACAGTCATGCAATCAAGAAAAAGGATGAGATTGAGAGGGTTGCAAAGGCTA
ATCGTTGAGGTAATATGTCAAGGTTCATTTTATGTGACACAACAAGAGTTTTATGTACTATTTTTTTTGTCTCT
GGCTACATTCTTCTAATGAACACTATAGTT

>trans_s_12734AY084047|Silene dioica Y4 protein gene, partial cds

AGGATGGTTCAATTTCTTAATGGAACCATCTTGAACTTCCTGAAAAGTTGAGGTCAGATGTTTTATTGCACCG
TCCTAATGATACACTTCAAATGTCACACGAACTAACCAATTCATTCGCGATCGAGATGGGCATTCTCTCCCAT
CCCCACATTGGGATTTGCCTCATAGGCAGCGACAGGGGATCACAAGAAGAAAAGTCTGGCAAAAGTAGGCTAC
AAACTGTAAGTACGACGGGAGAACATGATGTTGAAGAGGAGGTCTCACCTCATGATGCCACTCACCAAAGTA
CATTAAATGATCTAAGTATCAGGAACTCTTCTCTGTACGACTTGATAGGCATCTTCACGCATGCAATCCAA
TTAAATGCCTCCTCACCAGCCTCCTCGAATGCAGCTTGGTAATGCTGCACAAGTTTTGCATTGAAGATTCATCT
GTGACTGTTTTACAGCATTCATAAAATCGGGCTGGCAGATAAAAAACATTGAATGATACTGCACACCTCAGGC
TTCTCTAATGAAAGCAATTCACCTCCCTACTGATCGATTCCAATGCCATAAGAGGATCTGTTATCACAAAATG
GCCAAAGCTGCCATTTATATAATTTTTGGATTGAATTTCTCTTTAATCCTTTTCTCGTGTCTTTTGCCTAGCG
GGCTATATTCCTGAATCTCTGTTGAATCATTTTAGTATTTATGATAGATTCAACCCACACACCTCTCACAAAAA
TATGGAAGTGAAGTTGCTGAATCAAGTGATTCTTTTGATATGCACCATTTTATCATTGATCTTATATAATTT
GAGCTCTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12735AY105222|Zea mays PCO107283 mRNA sequence

TGTGTGTGACCGTAGTTCATGCGAAGGAGAGAGCGTGTACATTGGCCACAATAATCGGCGATCCACGTCA
AAGAGATCAGTCAAATTTTGCGCCATTGTCATTCTACGATAACTCAAATCCCCGAGACATCGCTCAGCAAAAT
CCGAACCCGATCGCAGAAAAACATGGCCACGAAGGGAAGGCGGACGAGCAACTCTCCAGCTTCTTGCTGG
TCTTCTTACCAGGTTGAATCACTTACAAACCAGGAAGAAGTTGAATTGCGTACAAAGATCGAAGCCCTCGGA
CTTGAAGTTACAAAAGTACCCTCAAAGTCCTTAAAGCAGCTTGATGAACTGGAAATTGCCAAGGAGTTGGATA
AGCTATCTGAAAAGCTAGATAACGTGGATGAAATGATTTCTTCAGCAATGGCTTCAGATCCACAGGTGCAGTC
CCTGTTGAGTGATACTGCTGATATTTGGATGCCGGTGATAACTGCATCGGCTGACGAACGACGAAATTTACA
TCTTCCGTTGGAGAAAATCCAGAAACAGAAGCAAACCGTGGAAGTTAGATATCATCTTTTTTCTTCTTTCTTT
AAAGGATAAGTAATTACAATTATCTGTCATAATTTTGTATATCGATAAAGAATGTGTTTTAAAGCTAGCTTAT
ACAGTGGTTGGAACTTGGATCTATTCTTCCAACCAATCTTGTCTGTAGAAATCCTTCATAATTGTCTAAAGATA
AATATTGGGAAGGGTTTTTTTTTAAGAAAAATTATTGATGTAAGTAAATATGCTAATCTGAGATATTGCCCTTT
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12736XM_002886033|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GCIP-interacting family protein,
mRNA

CTTCTCCCTTCTTCCCTAAACGCGAAGAGGAATCTGTTCCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTG
TTCTAACCAAGCGGAAAAACCTAGGTTTCAGTGTATTATGGGGTAAGATAAGTTGTTGCAGAGATGTCTGA
TGAAGGAAGAGTACACCCTGATTGTAGAAATGCTTCTAATCCTTATCATGAATGTAGCGAGTACTGCTTTAA
GTAATAGCTCAAATCAAAGCCCGGAGTCAGAAAAACGAGCCAGTTCCCACTTCATCAGAACTGTACAAGCTG
GTCGAAGTAGTGGTCTTCCAGTTTTGTGCCTCCCGATGAGTATGAAGATCTTCATGATGAAAAGCCTGACGA
AGAAGGGGCACAGTGATGGTGATCTTGACAAATTTAGTGGCGAGGAAATTGTGGAAGGAGACTTCACAAAGCT
CACGGGGAGGAAAAAGAAGTTGTTGAAATTAGGCTTAAGATGAATGAGGCTCGGAAAGCTAATCAAACAG
CAATCGCTGCCGAGAAAAAGAAAATGGAACCTCCATCAGAATCAAGAGGCATTTCTAAACAAAAGTGGCTTG

AGGATCGGAAGAAGAAAATTGGGAAGCTTTTGGATGCAAATGGCTTGGATATGACAAAATCATATATGTTAG
ATACACAAGAGGCAGCAGAGGCCAAATATAAGAAATGGGAGAAGGATCCAGCTCCCTATGGATGGGATGTC
TTTAACCAGAAAACTTTATATAATGCATACAAGAAGAGGACGAAGAATGTAAATATTGACCTTGAGGAATATA
ATAAAATGAAAGAATCTGATCCTGAGTTCTACCGTGAGGC

>trans_s_12737AJ517208|Medicago truncatula mRNA for phosphatidylinositol 3-kinase (pi3k gene)

TTACTTGACTCCTTATAAAGTTTTGGCAACTGGACAAGATGAAGGCATGTTGGAATTCATCCCATCTCGATCTT
TGCGCAGATACTTTCAGAACATCGCAGCATTATAAGCTATCTGCAGAAAGTTTCATCCTGATGAGCACGGGCC
CTTCGGAATTACAGCTACCTGTCTCGAAACATTTATTAAGCTGTGCTGGATATTCTGTCAATTACGTACATATT
GGGCATTGGAGATAGGCATCTGGACAATCTTCTCTTAAGGGATGATGGGCGTCTTTTTCATGTTGATTTTGGTT
TTATCCTCGGCAAAGATCCCAAGCCATTTCCACCTCCCATGAAGCTGTGCAAGGAGATGGACGAGGCCATGGG
CGGGGCTGAAAGCCAATACTACACAAGGTTCAAATCGTATTGTTGCGAAGCGTACAATATTCTTCGAAAGTCG
AGTAATCTTATCTTAAATTTATTTACCTGATGGCTGGTTCCAATATTCCCGACATTGCTTCTGATCCTGAAAAG
GGCATTCTTAAGCTTCAGGAGAAATTTGCCTAGATTTAGACGATGAAGCGTGTATACATTTCTTTCAAGGTCT
TATTAACGAGAGCGTTAGTGCGCTATTTCTCAAATGGTTGAAACAATTCATCGCTGGGCGCAATACTGGCGG
TGAGCGAACTGTTGGATTGAAGGTCAGAGTAGAGTACTTTTGTAGTTATTACAGTCTGTTTTCTTTCTCTG
AAAAATAGTTTTAGTTGTTGCAAGTTCTCAGCCAGCAATGTTGAGCCTCTTCTTCCCCATCCCCATGCTACTCAA
TAGCAAAATAAACTTCTTCATCAGAA

>trans_s_12738AY058189|Arabidopsis thaliana AT4g18950/F13C5_120 mRNA, complete cds

TGAAAGTTGAAACGACACAAAACGAGTTCTCGTTGTTCTCACCGGAAACTCATCGATTCATTTCACTCCGAAAC
CTAGCTGTAAATTTGTGATACTCCAACCTCATTTTCTAAATTTAGTTGAGCGAAATATTGTTTTTCATTGCCGGAG
ATTCGTCGGAAGAGTAGTGCTTGTTACTTAGGGTTTTAGAAACAAATGGAACGAATAACAGTAACAACAAC
GGGGTGAGGTTTTTGTAGGGAAGCAATCGTCGATGGCGCCGGATCGCCAGCCAGAGGAGGCGAAGTTGGC
GGAAGACGGCGAGGAGATCGATCCAGGGGTGAGATTGATGTATTTGGCGAATGAAGGCGATTTGGAAGGG
ATTAAGAGCTTTTAGATTCAAGGAATTGATGTAAATTTTACGATGTTGATAATCGGACGGCGCTTCATGTTGC
TGCTTGTAAGGATGCTCCGAGATCGTCGATTTATTGCTCCGCCGTGGCGCTGAAATTGACCCTAAAGATCGC
TGGGGTAGTACGCCTCTTGCAAGATGCTATATTCTACAAAACCATGAAGTTATCAAATTGCTGGAAAAAAGTG
GCGCAAAACATCTGATGGCTCCCATGCATGTCAAACATGCTCGTGAAGTCCCAGAATACGAAATTGATCCTAA
AGAATTTGACTTCACAAACAGTGTCAACTGACCAAGGGAACCTCCCATCTTGATCGTGGCGCGGAATCCAA
GTTGCAGTTAAAGAGCTTCCTGAGGATGTGATTTAGAGGAGGATAAAGTGAACGCCTTCAGAGATGAGCTT
GCATTGCTTCAGAAGATTCGGCATCCTAACGTGGTTCAA

>trans_s_12739AJ130887|Fagus sylvatica mRNA for glycine-rich protein 2

CGTAGCGATTGGTTGGTGGTGCATGGCCGTCATCTCTCCTTACCTCTCCATCGCTCTCCTCCGCTCACCATCTCC
CTCTTCTGACGACCAGCAACCCACCGGTTCTCCCTCGCGCTCACCGTCTCCCTATCTCCTCCAGCCGACGCCATC
ACCTGGCGACCGCCATTGGCCGCTCGACTCATCGGAGAGAGCCATCTCGTCGCGCTGCGCCACCATCTGCCAC
CGCTAGCCTCGCCAAATCTGGAAGTTGAGATTGAAGAGTAGCGGTGCCGTTAATTGCTGTCCAGCGGGTTTT
CTTTAAATTTTGGTACTTAGTAAAGGTAGTATCTGCTTCTATTAGTATCTGCTTCTAGTTGTATCTGCTTCGTAT
CTTTAAAGATGCTTCTCTTTCCCTCCTTAAGACTGCTCAAGGACACCCCATGTTGGTGGAATTAATAAATGGT
GAGACTTACAACGGCCATTTGGTTAATTGTGACACATGGATGAACATCCATCTTCGGGAAGTCATCTGCACTTC
TAAAGACGGTGATCGGTTTTGGCGAATGCCGAATGTTATATTCGTGGTAATACAATCAAGTATTTGCGAGTT
CCAGATGAGGTTATTGACAAAGTTCAAGGAAGAAACAAAAGCCGTGCAGATAGAAAGCCTCTGGGTGTAGG
GCGTGGAAGAGGAAGAGGGCGTGAGGATGGTCTGGTGGCAGACCAGCTAAAGGAATGGGGAGAGGCTTT

GATGATGGTGCGAAAGCTGCTTCTGGCGGCCGTGGAAAGGGTGGCCCTGGTGGGAAACCCGGTGCGAACAG
AGTTGGAGGCAGGGGAAGAGGTTGATCAGATTGAT

>trans_s_12740AJ243544|Raphanus sativus gene for 67 kD chloroplastic RNA-binding protein P67.1

ATGAAGAATTCTGGGACTTGCTCACCTGACAGTTGGACATTTTCTCCATGATTACCATATATTCCTGTAGTGG
AAAAGTATCTGAGGCTGAAGAAATGTTGAATGATATGGTGGAAGCTGGTTTTGACCCTAATATCTTTGTCTTA
ACATCACTAATCCAGTGCTACGGGAAAGCCAAACGTGTTGATGATGTAGTGAGGACATTCAATCAATTGATAG
AGTTAGGATTAAGTCCAGACGATCGATTCTGTGGCTGCCTTCTCAATGTGATTGCCAGACACCAAAAGAGGA
AATTAGTAAGCTGATTGATTGTGTTGTGAGAGCTAATCCAAAACCTGGATTGTGGTTGAACTCTTGCTAGGA
GAGCAAGACAAGGAAGGAAATTTGAGAACTGAAGCCTCAGAACTCTTAGTGTTGTCAGTGCTGATGTGAGA
AAAGCCTACTGCAATTGCTTAATTGATCTCTGTGTAATTTAGATCTTTTGGATAAGGCATGTGAACTACTGAA
TTTGGGGCTTACACTTCAGATATATAAAGATTTGCAGTCCAGGTCTCCAACCTCAGTGGTCTCTTTATCTTAAGG
GTCTTTCTCTGGGGCTGCTCTCACTGCATTACACGTTTGGATAAATGACTTAACAAAGGTACTTGAATCCGGG
GAGGAACTTCCACCATTACTTGGAATAAATACTGGACATGGAAAACACAAGTATTCAGATAAGGGTTTGGCAA
GCGTCTTTGAATCACATTTAAAGGAATTAAATACACCTTTCCACGAGGCACCAGAAAAGGTTCGGATGGTTTTT
GACGACTAAAGTGGCAGCAAAATCATGGTTGTCT

>trans_s_12741NM_105687|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L12 family protein (AT1G70190)
mRNA, complete cds

TCTCTCTGGAGCTTACCCACCACCCTGTCTCGACGACATTGAAGCTTCTTCGGCCATTATCGCCGGCAATCCACC
AATATCCTCACGGCTCACTGTAACCCACCACGCTCCCTGCTTCAGCGTTTCGCTCTCATTTCTGGGTTGCATTCA
TTCACCCTCCCTCAGCGCCTAATTCTCATCTCTCAGCCCTTAAGTTGGGGGTTTAGGGACCTGAGGTGGGCGTG
GACTTTGAGAAACAGAGAAAAGAAATACCTGTCTTCTTGACCGGCCACTGAATTGTTCTCCGAAACTCAAAA
ATGGGTTTCGATTTAAGTAGATTGCTACTTCAGGGGGGAAAGTTAAATTTGGTAACTTGAGAAATGCGCTTAGTT
TCAAGAATAAGTCATCTTCTACCCAATGTGTTTGCAACACCATTTCGCTCTTCTACAGTTGCCCTCAATCCTCTC
AACAGAAATGGAGTGCATAGAAATTATGCTCAACCTTCTCGGATAGAGGAGGAAGAGGAAGAGGTGGAAAA
TGATCAGAGAAGGCTTCAGCTGACTACGATCCTGCTAATTTTGATCCAACAGAGCATCGTAGTCCCCCAACA
GATCGTGTTTTTAGGCTAGTAGATGAAATATCTGGACTCACATTAGTTGAAGTTGCTGAATTATCTTCCATTTT
GATGAAAAAAATTGGGAATGACAGAGATGCCAGTTGCTGGATATATGAAGCCAGGAGCTGTGGGGTTGGCT
GGAATGGTGAAGAAGGTGTCATCAGCAACTGCTAAGGAGGAGAAGAAAGCAGAAAAGACTGTTTATGAGTT
GAACTAGAGTCTTACGAAGCGTCTGCAAAGATTA

>trans_s_12742XM_002864649|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phospholipid/glycerol
acyltransferase family protein, mRNA

AATCAAACACCAACAACAAGAAGCAGAGCAAATAGGAAGAGACCCACATCCAGATTTCAATCATATTCTCAAA
GCCACCAATTATGAGTGGTGCTGCTCTTCTCAAATCCTCCGCCTCTGAATTGGACTTAGATCGACCAATATCG
AAGATTACTAGCCTTCCGGATCCTCTATCCAAGAACCCACTGCCAAGCTTCGCCTGCGTGATTTGCTCGATATTT
CTCCACCCCTTACCGAGGCTGCTGGTGCTATTGTTGATGATTGTTACAAGGTGTTCAAATCAAACCCACCA
GAGCCATGGAATTGGAATATTTATTTGTTCCCTTTGTGGTGCTGTGGAGTGGTGATTGCGTATTTGATTCTCTT
CCCGGCAAGGGTTCTCATATTGACGATAGGATGGATAATTTTCCTTTCAACATTTATTCCAGTGAATCTCCTTCT
GAAAGGGCATCCTAACTGAGAGCTAAGTTAGAGAGGTTTTTGGTGGAGTTGATTTGCAGCTTCTTTGTTGCA
TCTTGGACTGGAGTTGTTAAGTATCATGGGCCACGGCCTAGCATCAGACCAAAACAGGTTTTTGTGGCCAACC
ACACTTCCATGATTGATTTCATAGTCTTGGAGCAAATGACTGCCTTTGCTGTTATTATGAAAAACATCCTGGG
TGGGTTGGCCTGTTGCAAAGCACTATATTGGAGAGTATAGGATGTATATGGTTCAACCGTACGGAGTTGAAG

GACCGTGAAGTTGTAGCAAAGAAGTTAAATGACCATGTTTCGAGGGGCTGACAACAATCCTCTTCTTATATTTCTGAAGGAACTTGTGTAAATACCACTACTC

>trans_s_12743NM_130139|Arabidopsis thaliana BAP2 (BON ASSOCIATION PROTEIN 2) (BAP2)
mRNA, complete cds

ATCTCCGATTCTCTTCAGATTCTTAATTCCTTCATTGATTTTTCTTCAAATTTTCCCATTCCTTTTCATATATGGCTTC
ACGAACGTTAGAAATCACTGTCATATCGGGAGAGAATATCCAAATCCGTGGAAAGCCGATCAAGAGCGGTTT
GTTTCGTCAGTGTTCGACCCGAGCTTCAAAGCGAAAATGGCTCTGTAAACACGAAAATCGATCGCGATGGTGAT
GGGTCCCCGAGGTGGAATGAGAAGCTGGTCGTCGATCTTCCAATGCACGCTGCGTTCGTCGTTGTGGAGGTTT
GTCGGAGTGCTTCTCGGGACGGAAGGTCAAGATCGTCGGGACGTCTAGGGTTCCGGTGGCGGACTTTGTCTG
CTGGATACTTGCCGGAAAGTCATTTGCAGTTTTTGTAGTTATAGGTTGAGAGATGAGAGAGGAGAGAGGAATG
GAATTATTAATTTGTGGTGAGAGTGAAGTTGGCGCCAGGAATTGAGAGGATTGGAGTTCCGGTTCGGTG
CGATGCCGGAAGGGAGATTCCACGGTGGCGGCGTCGGAGTCGTGACAGGTATTCCGATATGGAATGTTGCAT
ATAGAGATCGATTTTAATTGAAAAAACCTATTAATCAAATCTTTTATACTATTCTTTTATATATAATGTATA
TAAATCATTCTTTTGGTTTTGTGTGGCCAAAATTCCATGAGATAATATTCAGAATGTTTCATATTATTCTTTTGAA
TTCCAATTACCTATAATGGTTGTTCAATTTATTGTTGAAATTATACCAATTAAGTATGATAATATCTACTTTTG
CGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12744BT029334|Arabidopsis thaliana At4g14145 mRNA, complete cds

ACTTCAAGTTAACGCCGCGCATCTATCATCTCTCCACTCACCTCTCGTCTCGGCCTCTCATCTCACCTTCACGCC
GTCGCCGGCGCTCATCTCCGATCGTCTCTCCCTTTCAGCTCATCTCCGCTCGCGCTCGGCTCTCCCTCTCAGTCT
CCGAAGTCTGAATCTCCCTGTTAGTGATTATTTATTTTCCAAGAGGGTCGCGAGTGAGGTCGGATCGATCAC
GAGAAGAAAGCGCCAACGAATCTGAATTAGCGGGAGAGGTTAGCAGAAGCGTAGAAGGATAGGCTTTTTT
TATTTTGAGTAGGCTCTGAAGACTCCGAAGGAGGAGTCTTGAATACCTGCAGCGCACCGATATCCTGTTTTT
CCAGAGTTTGACAATGACCAGCACTGAAGCCGGAATGGGTGAGTCTACAGAACCGAAGAAGATTTCTCTG
CCAGCAATGCAGCTCGGGCATCTCCATCCATGTTTCAAGATGGGGAAGAAGACACCCATTTATCAGATATGG
ACTTCCAATGATCTCTCTCACTGTGCTTGGGGCAGTTGGTCTTGGTCATCTTGAAGGAAGTTCAGTAAAGA
TATTGCAAAGGTAAAAGATGATCAAGAATGGGAGATCACTGAGATGAGAGAAGCCCTATCAAGAACAGGAC
CTATTGATGCGTATAAGCCCAAAATATATCTTTAGAAGAAGAACTAAGGGCTTTACAAGAACAGGTGGACAT
TAACAACTATGAGTACAAGAGAATTCCAAGGCCCACTGATCGGACATCTTAAACTTTGCCCTCCAAATTGCAT
ACAAAACCTTCTTACTCAGCAGGCAGGTATTTTTT

>trans_s_12745NM_001064083|Oryza sativa Japonica Group Os06g0332800 (Os06g0332800)
mRNA, complete cds

ACACACCGCAGAAGCAGAGCGTTAAGCTCATCAGAAAACTTCTGAATTTCACTCATCAATAACAAATTCAAAT
TCCCAAAACCCCATTTAAATGGCTTTTTCTATATGTTCTTCCACACCCATTTGCTCCTTTAATCACTCCAGCAAT
CCCAAACCCGGGGTTCTTGTGGAATTCAGTGCCTCAGAAGGCTTTTAGGATGAATGAGGCGGTTCAAAGA
ACAAACCCCATTAGGCATTTGTCTTTGAAGCCAAGGCTTCAGATGGTGCGGATAGTAAACAAACGACAAAAT
ACAAAAGCATAGTTTGCACTGATTGCGATGGAAATGGTGCTGTCCTATGTTCTCAGTGCAAAGGAACAGGAGT
TAATTCAGTGGATCACTTCAATGGACAGTTTAAAGCTGGTGGCTTATGCTGGTTGTGCAGAGGCAAAAGGGAT
GTCCTTTGTGGGGGCTGTAATGGAGCTGGTTTTGTGGGTGGATTTATGAGTACAGCTGACAGTTAGTAGTTTG
TATTGCGAAGTATGAGTTTTCTTTCACCAAGTCAATTTATGGGTTGTGTGAGATGGAAAGACATACTAGTTTCA
GTAATTTTGTATAATGGTTCATATAATTCCAAGCTTGTAATTGAAATTATGAATGTTTTTCTGCTATTCACCAT
TTGTTTTTTTGCATTCCCCTGAATTTTGTAGATCTTTGAGATGTAGTATATGACTACCATATACTTTTTAGGTTTG

TTAATGGTAATAAATACTATAAGATGTTAAAAATGTTGTAAGAATGAGGCAGTGACATAAATGACTATTCGCA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12746Y10036|C.sativus mRNA for SNF1-related protein kinase

ATAAAAAGAAAATAGAAAATGGACAATTCGGAGAGAAAAGAAACAAAGAAAAGAGTTTTCTCTCTCTTAGAA
TCCATTGCACAGGTCGTTGCGCGCTCTCGCATCGGTCCCAACATCCATTGCTACGCCTCGTTGCCCTTCCCTTC
ACTCTCAACCAGCATTCTCCTTCTTCTTCATCAGATCTACACTCTCCATCGATTTCACTCTCAGCTGTCAAATGGA
TGGACCAACTGGTCGCAGCGGCGGTGGCATGGATATGAATGTGCCAACTATAAGCTTGGGAAAACCTTGG
CATTGGTTCATTGGGAAAGTGAAAATTGCCGAACATGCTTTAACTGGTCATAAAGTTGCTATTAAGATCCTTA
ACCGCCGAAAGATAAAAACTTGACATGGAAGAAAAAGTGAGAAGAGAGATTAAAATATTGAGATTGTTCA
TGCATCCTCACATTATACGGCTCTATGAGGTTATAGAGACCCCTTCGGACATTTATGTTGTGATGGAGTATGTA
AAATCTGGGGAGCTCTTTGACTATATTGTAGAAAAGGGAAGGTTGCAGGAGGATGAAGCCCGCAATTTTTCC
AACAGATCATCTCTGGTGTGGAGTACTGCCACAGGAATATGGTAGTTCACAGAGATCTCAAGCCAGAGAACTT
GCTTTTGGACTCCAAATGTAATGTGAAGATTGCTGATTTTGGTTTGAGCAACATAATGCGTGATGGTCACTTTC
TGAAGACAAGTTGTGGGAGTCCCAATTATGCTGCCCCAGAGGTCATCTCTGGGAAATTATATGCTGGACCTGA
AGTAAATGTCTGGAGCTGTGGGGTGAATTTGT

>trans_s_12747DQ223268|Lycopersicon esculentum ethylene-overproducer1-like protein (EOL1)
mRNA, complete cds

TATAAACTTACAAAACCTGAAATATGGGGGAAAAAATCTATGAAATGGTCGTTACATACACATCCTCTAGGTA
TACATTGTGCTGATGATATTGCAACTTTGGCATTGTTTAAATCACCCATTCTACACACTCATGGTTCATGGCT
GTTTACCCGGCTATGAAGCTCCAGCATTCTTGATGGTTTGGGTCAACCGAAAGAGCAGCTCGACAATCCCGA
AGAGCCCCCAATACATCATTAGTATGCTCGTGGAATGCTGCTCGTAGGTGTAGAAGGTGAAGGTCTGCTTTGA
ATGCTATTGCCCTTGATAGTTCGGCAATTGCTTCGTCTACCTTGTGGCTATCCATCAACACCGCGGCACGGTAT
CTGTATGGGTACACCCGAAGAGGGTCCAATTGAGTAACCATATCTAGATCTGCTTTGGTCAAGTCACGGTCAC
CGTACTCAGATCTCTCCTCGTATGCAGATGCATTATTGCGTGCTTCTCAATTAGTTTGGTCATCTCCTCATATG
CAGCAGCCTTATCATTTCTTAGATAATGAACCCGAGCAAGCCCTTGATGCGCTCGAGTGTGACGAATTTTGAG
GGCATTAAATGTAGCAGTCAGCCGCCAAGTCTAGCTTCCACAATCAACATAAACTTCCAAGATTGTTTAGTG
CCTGACCTTTGCGCAACCTATCCGAAGGGCACTTCAAAGCATCTTCTAGGAGAGAAATAACTGTAGAAGAACA
AGACGGATCTTGGCTTGAGTCAGCCAGTGCATAGGCCTTCAAAAAGAAGACTTCAAAGGATCTCTTAATTTTA
ATTGATTCCTCAGCCTTTTGGAGCCCTTCCT

>trans_s_12748FJ752239|Malus x domestica monodehydroascorbate reductase mRNA, complete
cds

TTTTCATTTTTCGCGTCTTTCTTTTGAAGCACAAGCAAGGGATCTTTTTTACTCACCAATTATGGCGGACAAG
AGTTTCAAGTATGTGATCGTCGGTGGTGGTGTCTGCTGGATATGCAGCGAGGGAGTTTGTGAAATTGGGG
CTTAAAGCTGGCGAGCTAGCAATTATTTCCAAGGAGGCGGTTGCTCCTTACGAACGCCCTGCTCTTAGTAAGG
CGTATCTCTTCCCTGAGTCTCCTGCTAGACTTCCAGGATTCATGTCTGTGTTGGAAGTGGAGGAGAGAGACTT
TTACCAGGGTGGTACAAAGAAAACGGGATTGAATTGATTCTTAGCACGGAGATAGTGAAGGCAGATCTCGCT
GCGAAGGCTCTCACTACTGCTTGTGGTGCAACCTTCGAGTATCAAAAATTTGATCATTGCAACCGGTTCCACTGT
CATAAAATTGTCAGATTTGCGGTGTAGAAGGAGCTGATGCTAAAAACATCTTTTATTTGAGAGAGATTGCCGAT
GCTGACCAGCTTGTAGAAGCAATTAATCAAAGAAGAACGGGAAGGCGGTGATTGTTTGGAGGAGGTTACAT
TGGTCTTGAACCTTGGTGCAGCTTTAAAGATCAACGATCTTGATGTTACCATGGTCTACCCCGAACCGTGGTGCA
TGCCTAGGCTTTTACATCTGGCATAGCTGCTTCTATGAAGGTTTCTACAAAAACAAAGGAATCAATATAATT

AAGGGAACAGTAGCAACTGGTTTTACCACAGATTCAAATCGAGAGGTAAAGCAAGTCAAACCTCAAAGATGGC
AGGACTCTTGATGC

>trans_s_12749BT026101|Arabidopsis thaliana At5g06480 mRNA, complete cds

AATGTATTTTCCATGAATCGTCGCTGAGTTTTCTTCTTCTTCATCTTCACTTCTTTGTTTCAGATCGGCCCTTCC
AACTCCAATCATCGACGACATCATGGACGGAGGGCGGTTCGTTCAATCGCATCATCTTCCTTCTCTTCACCGTTC
TTCTTCTCTTCCGGTCATCTTTGCTGCCAAATTTGAATATTGCGATAGGAGAGGTAATTATCCTGTGAAGGTC
GATGAACTCGAAGTATCTCCTGATCCAGTAAAGAGTGGCCAGCCTGCCACGTTTACCGTTTCAGCCTCAACTG
AGAAGAATCTCTCCGGTGGGAAGTTCGTGGTTCGAGGTCTCTTTATTTGGGCTGCATATACATTAGAAAAGTCA
TGATCTTTGTGAAGAGACTTCGTGTCCAATTGCACCTGGAAAATTCTCTTTATCTCACTCCCAAAGCTTACCTCC
ATTTACCCACCAGGTTTCATATGTCGTTAAAATAATATTGAGAGATAGCAAGAACCAACAGTTGACATGCATC
AGCTTTAAGCTCAAAATTGTTTTCGGTGATGCGGAATCAGCAATTTCTGAAAAATCCTTGGTTGCTGAGAGTTG
AAAAATGACCAACAATTCAAGTTTAAAGATTTTCATGTTAAGTTTCTCCTCTGTTTTTCACTGCATGGTGTGAAA
TATTATATACTTCTCCGACAAGGGACTGTTCTACCTTCGTTGGTTCTTTAATGCCTATGAATTGTGTAAAAAGCT
TCTGAACAAATGTGAATTCCTCAATATTAAGCTGTTTTCGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAA

>trans_s_12750AY107298|Zea mays PCO091663 mRNA sequence

ACTCCACATTAATCGACATGGTTTTTGGTTAGTAATACCAATAAATTCATTCCCCCATTTCCCTTTTCTCCTTTTC
AAAACCATCCATTTCTATTCTTCTCTCCCCAAAAATGTCTATGCCGATGCTATCTCCCTGTTTCTGATCCTTC
TCTTCTCTCTCACATTTGGGCGACCAAATCTACCGCCGTTCAACGGAACCACCCGATGCGGCTGAGATTTGGG
AAAAATGGGGAGTTTAAAGATACTTCAAGTGCGGATATGCATTATGCTAATGGGAAAGGTACCCCTGTGAG
GATGTTCTTCCCTATCAGATTTCTTCTTGCTCTGACCTCAACACCACCGCCTTGTTCGCCGGATGATTCTTGCTG
AGAAACCGGATTTGATTGTTTTTACTGGGGACAATATCTTTGGATTTGATGCAACGGATGCTGCAAAATCATT
GATGCTGCATTTGCTCCAGCAATTGCTTCCAATATTCCTTGGGCTGCTGTTCTGGGAAACCATGACCAAGAATC
TACTCTTCTAGGGAAGGAGTAATGAAGCATATAGTTGGGTGAAAAATACTCTTCTAAGGTTAATCCTTCAG
GAGTAAAGACAATCAATGGATTTGGGAACTACAATCTCGAGGTAGGTGGAGTGAAGGGATCTGATTTTGAGA
ACAAATCTGTTCTAAATCTGTATTTCTTGACAGTGGTGATTACTCCACAGTTCCTGGGATTTTGGCTATGGCT
GGATTAAACCTTCTCACAGTTTTGGTTTCAGCTTACTTCTGCCAAGCTCAAGAGAGCATAACATGAACAAACCAT
T

>trans_s_12751XM_002886482|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ARP2/RPL3B, mRNA

AACGTCGGCAACAACCTCTCTCCCTTCGCCACTTCAATTGAGGTTTCCTGTGTCAGGAAGGCAACATGTCTC
ACCGCAAGTTTGAGCACCCAAGACATGGCTCTTTAGGATTTCTTCCAAGGAAGAGAGCTTCTCGGCATAGAGG
AAAAGTGAAGGCGTTCCCTAGAGATGATCCATCGAAGCCTGTAGGTTGACTGCTTTCCTTGGATACAAGGCT
GGGATGACCCATATAGTCAGAGAAGTCGAAAAGCCTGGTTCAAAGCTACACAAGAAAGAAACATGTGAAGCT
GTGACAATCATAGAAGCGCCCCCATGGTTGTTGTTGGGGTTGTTGGCTATATCAAACGCCCCGAGGTTTGC
GTTCATTTAAACTGTGTGGGCCAGCACTTGAGCGAGGAGCTAAAGCGGTGATTTTACAAGAACTGGTGCAT
GTCAAAGAAAAAGGCTTTCACGAAGTACTCGAAGAAGTACGAGACTGAAGATGGTAAGAAAGATATTAGTC
GCAGTTGGAAAGTTTGAGGAAACACAGCACTGTAATTCGTGTTCTTGCCATTACAGATAAGGAAGATGCAG
GGATTGAAGCAAAAGAAAGCTCACTTAATGGAAATCAAGTGAATGGCGGAGATGTTCTAAGAAGGTTGAT
TATGCATATAGTTTGTGTTGAGAAACAGGTCCCTGTTGATGCCATTTTCCAAAAGGATGAGATGATTGATATCAT
TGGAGTAACGAAGGGCAAAGGCTACAAAGGTGTGGTGACCTGTTGGGGTGCTACTCGCCTGCCCCGTAAGAC
TCATCGTGGCCTTCGGAA

>trans_s_12752NM_116926|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing protein / copper chaperone (CCH)-related (AT4G08570) mRNA, complete cds

ACATAAATTTTGAATTTGTTCAAGAAAGCCATTGGTTTTTCAATTTTTTCCATCGGCAATCTTCCCATATCCCA
TTTTTATATAATCTTAGAACAACTCCCAGGTAGAGCACATCTTGTGAAAGTACTTATTAGAACTTATAGAAA
AAGGGAAGTTAATCAAAATGGGAGTTGAAGGCACTTGGGAGTACTTCTCCAATTTGATTAACAAACACAGGA
AGAAGAAGAAGCAGATGCAAACAGTATCCTTAAAGGTTCTGTATGGACTGCGAGGGCTGTGGCCGCAAGATG
AAGCAAATCATGTCTCGTGTTAAGGGGGCGAAGAAAGTGGATGTGGATGTGAAGCAAATGAAGGTGACAGT
AACCGGTTACATAGAGCCAAAGAAGGTGTTGAAGGCAGCACAAGCAACAAAGAAGAAGGTGGAGATGTGGC
CTTATGTTCCAGTTTCATTGGAGCCATATCCATATATATCAGCCTCTTATGACAAGAAGGCTCCTCCAAATATGG
TTAGGAGTGTTCAAACACAGCCACCATTACTGAGACTCTTGTCAATGAAAATATGTTCTGAATGTTTAGTGAT
GATAACCCCTACGCTTGTCTATCATGTAATTCATACTACCTATTTGTTTTCCCTTCATTCTAAAAACGTA
TACACTTTCACATACTGCCCTAACCTACAATATGTCTTGGGGTATTTGTTCACTATTTTAATTTTGTTCATTTG
GTCATGGTACAAAATGTTTATTTAGTCTTGAATTTTTAACGCAATTCGTTGAAAAAAAAAAAAATAAAAAA
AAAAAAA

>trans_s_12753NM_104839|Arabidopsis thaliana TIM13 (TRANSLOCASE OF THE INNER
MITOCHONDRIAL MEMBRANE 13); P-P-bond-hydrolysis-driven protein transmembrane transporter
(TIM13) mRNA, complete cds

ATTGCCATAGACATCGCCGCTGCCCTTAACACAAAATCAGCTCTACGGCGCAGCGCAAACCAATACTGAA
AGCGGCTTTGGTTTATAGGGTTTTACAACCACCGAACAAATGGATTGTTTTATCCCTTCAAGCGGTTCTTCT
CCCCAATTTTCTGCCAATGAATTCAGGGATCAGCTCAAGACTCAGCTTGCTCAGGCCTATGCCGAGGAGTTTCT
TGAGACCTTAAGAGTGAAGTGCTTTGACAAGTGTATCACAAAGCCAGGGTCAAGCTTAAGTGGAAGTGAGAG
CAGTTGCATCTCTAGGTGCATGGAGCGTTATATTGAAGCAACCAGCATCGTCAGTAGAGCCCTCTTTAAGACA
CCACACTAAAAGAACAGGTTTTCTAAGACATTATGAGGTGCGAGGTATCTTCAGCACCCAACCTACATTATTT
TCTCGGTTAGATATTTGTTTTCTGCTCTAAAATCTTCTTGAGGAGACAAGTTTTTGATCTGTTCCCATAGAT
AATATTGGTATCATGTGCTTTATTTGCTTACATGTGAACTTCGGGTCAATCAAATCTCATTCTTGTATTAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGGGGAGACCCAAAAGCAGCAAAATGCGATTACAAGAGATGAGAAGATTTCGAATTGGAACCT
AAACAAGAAAACTCAAATGTTTAAATGGTTGCTTAAATTTGCACCAATACACGCAATAGAAAAGACCAGCT
GCTAGTATTGGT

>trans_s_12754AB083482|Mesembryanthemum crystallinum MPC9 mRNA for protein phosphatase
2C, complete cds

TTTTTCCATTCTTTGTGCGACTCGTCGTTTTCTTCTTAAACGCTCCTTAAGCTGTCCCCTCTTTCTTTCTTTT
TCCTTTCAATTCCATTTCCTTCTATTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT
TTCAACTTGGGCAGTTGAGCAGCTCTACGGGCATGCGAGGAATGGCTAATTCCTTCCACATCTGTAACCATAG
CTACTAGATATTGTTTGTTAGTTTTCTTTTTCTTCTTCCATTTTGATCGAAGAGATTGGAGCTGGGCATTCTCA
GAGCCTACACAATATGGGCTATCTGAATCCGTCTTGTCTTGCTCGAGCCAGATTCATGCTGCTGAGGAGGCA
CCTGTAAGCGGTGGAGGATTAAGTCAGAATGGGAGGTTCAAGCTACGGTTATGCTAGCTCTCCAGGGAAGAGA
TCTTCAATGGAAGATTTTTATGAGACACGAATTGATGGTGTGGAAGGAGAAATAGTTGGTCTATTTGGTGTTT
TCGATGGTCATGGCGGAGCACGAGCTGCCGAGTATGTTAAGCACAATCTTTTAGTAATTTGATCAGCCATCC
AAAGTTCATTTAGACACCAATCTGCTATAGCTGATGCATACAACCACACAGACACAGAATTTCTGAAGTCG
GAAAATAATCAAAATAGAGATGCTGGATCAACTGCTTCCACCGCCATCCTAGTTGGTGACCGCTTGCTTGTGCG

AAACGTTGGTGATTCTAGAGCTGTTATTTGCCGGGGTGGCACTGCCATTGCTGTCTCTCGGGACCATAAGCCT
GA

>trans_s_12755NM_119691|Arabidopsis thaliana vestitone reductase-related (AT4G35250) mRNA,
complete cds

CCCTCGACAGGCACTACACACAAACCAAAAAGATTCATCCATGGCGCTCAGGCTGCCCACGCAACTCGCCACA
CCTGTCAACCTTCACCGCGACGCCTTCTCCTCCCGCCGCTCGTTTGCGCCCTCCGACACTCTTCTCTTCATTTT
CTTCTTTCGTTTCATCTTCTCCGCTAGGAGATCTTGTGGCTACCTGTAGTTAGATGTACGGCTCAGCAAACCTG
GACCTGTGAATCTAGCGCCGGGGACACCGGTAAGACCTACTAGCATTCTAGTGGTTGGTGCCACTGGAACCTT
GGGTAGGCAGATTGTGAGGCGCGCGTTGGACGAAGGCTACGAGGTTCTGTTGTCTTGTAGGCCTCGTCCGGC
TCCTGCTGATTTTCTTCGCGATTGGGGCGCCATAGTCGTCAATGCAGATTTAAGTAAACCAGAACTATCCCTG
CGACATTGGTCGGGATTCACTATCATAGATTGTGCTACAGGACGCCCCGAAGAGCCCATTAAGACGGTAG
ATTGGGAAGGTAAAGTTGCTCTGATACAATGTGCCAAGGCTATGGGAATTCAGAAGTATATTTTCTTCTCCATC
CATAACTGTGACAAGCATCCTGAAGTTCCACTTATGGAGATCAAGTACTGCACTGAGAAGTTTCTCAAGGACG
CAGGCTTAAATCACATCATTATTCGTTTATGTGGTTTCATGCAAGGTCTCATAGGGCAGTATGCAGTACCTATT
TTAGAAGAGAAATCTGTTTGGGGTACAGATGCTCCGACAAGAATTGCCTACATGGACACCCAGGATATAGCC
AGGTTGACAT

>trans_s_12756NM_001068362|Oryza sativa Japonica Group Os08g0422300 (Os08g0422300)
mRNA, complete cds

TGAAGCTCCCTACGGTTTATTTCCATTCCACCGACTGTTCTCCCTCCAACTCCTTCTCCGGCGAGCAGAACGCA
CCAGTAACGAGCGGTGGCGGCGCAGCGTCACATCCCAGCTGGTTTTTCTCTCCAGCCTTCTTTTCAGTCTGT
AACAATGGGTAGGAAAGCTGGTAGTTTGTATCAACCCAAAGAAGTTTGCAATCTTAGCAAACCTTGCATG
AAGGAAATGGTATCATTCTCAATTGCTTATCCCTTAACCAAAACAACGATGAGAAGTGCACCAGACATAAGG
AATTCTAAATACTTGCATGGATGCTCAGGCCAACAGAAACAAGAAACCTTGGGGTAGCATTAAATTACCAGTT
GCAGAGGCTTAGCAGAGGAAGAAAGTAGTTTGAGATTCTACTGAGAGAGTGTTAATTAGCTCTAGTAACAA
GAATCAGAGAAAAATCTGCAGGAAATGTTTAAATTTGAACTGACAAAGCTGTCTACAGAAAAATCTTGAAAA
TCAATACCCAGGTGCAATTTCTTGACATAATTGTTATCATATTTAGTGCATAACTTAGGTATATTTGGTTGGGAA
ACTTATTTATTGCCTTCTTTCTTGTTGTCAAATACTCAAGAGCCGTGCTTTTAGCTATCAAGTGATTATGAATCTC
AACTAGGGTAATAAATATTCTACGGATTTCTTGATGTCAAATGTTGTAGATTATAGTTTATTGTATGACAAATC
CAACATCTGAACTCTCGTGTTATTAATAAAGGATTTCTCTAACTTGTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_12757HM122543|Malus x domestica DOF domain class transcription factor (DOF2) mRNA,
complete cds

AACTCTCTTTGCTTCTGGTAATAATCACTTCATTTCTCCATCCCCAACTCCATTTCTTCTTCATCTTGTTGATTTT
ATCCATGTTTTTCGTCTTTTCTTCTGAATCATCTCTGCTTAACCAATCCATCTCATTCTTCTTACTTTCTTCCC
ATAAACTGTGCTTGTCGATGTTTCGTTTCTGCTCCCTTTGACTTGCTTATGGTGATTGAACCTTTGGGTTGTTG
TTTATCTTCTCTTAATCCTCAATTTGTCGTGAAATAGAGTTTCTCTATTAACCATCATTCTGCTCATGCTTTGCT
CCCGTTTTTCTCCATGGAAATTGTTTCTCTCTATCACCATGCTTTTTCGCTTCCTCTTCATCGCTCCGGTTATCAA
GAACTTGGGCTTTTCGGCACTTCATCTTCTGCTGATGAATGGGTTTAGGAGTCTTCAATATAGTTCCTCTCTA
CATCAACAAGCATATTTGGGAAATACTGCTCAATATTATTGCTTCTCTCGATCATCAAAAAACGTGCCAGGGT
CTCTTGGTGTTATCTTACTCAAACGAGAATTTATACAACCTTGGCACAACAACCTGTTCAAGTGGAAGAAAGAA
ACGGTCGATACATTATTGTTAGGGCTGAACTTGCAAAAATGGGGACTCATGAAGCCGGTTATCCATTATCAGT

AGTACCATTGAACTCTAAAGTCAGAAGAACGTTCTTTTATGCTACTACTGCAATCACTGCAATTTTTCTCTTTAT
GCTTATGCTGGTGGCGCATCATTTGTGTTATTGATGGATAGATACCGCAAAAAGATTCATTATTC

>trans_s_12758NM_102739|Arabidopsis thaliana PDF6 (PREFOLDIN 6); unfolded protein binding
(PDF6) mRNA, complete cds

AGCCCCCTTTGGCGTTAATTCCTACTACTACTGATTCCCATATTTTTCCCCCTTTAATAAAATCGACTACGATCA
ACCTTTCCAGTCGACGATTCTCAGTCGGAATGAGTTCTACAAGCGCTCTTCGAGAGCTACAGCGCGAGTTGG
AGGCCAAAGCCAACGATCTCAGCAAGCTACAGAAAGATATTGCGAAAAATCACCAAGTGAGGAAGAAGTACA
CTGTTCACTGGGTGAGAACGAGCTCGTCCTTAAGGAATTGGATTACTTCAAGACGACACAAATGTATATAA
ACTGATTGGTCCAGTGCTCGTGAAGCAAGATTTGGCAGAAGCAAATGCAAATGTGCGCAAGAGAATTGAATA
CATCTCTGCAGAATTGAAACGTCTTGATTGAGCCCTTCAAGATTTGGAAGAGAAGCAAAATAGCAACAGAGAT
GCGATATTGAAGTTACAACAGAGGATACAATCTCTGCAGGCTGGAAAAGCTAAAGCATAACATGTTTTACTGT
TGTTTTCACTGTACGTTCTAACTTATGTTATCTTTTTGCAATCTCTTGTATCAGTTAAAGATAAACTCACTC
AAAAGCTTGACAATACTTAGTTTTGATTTTGAAGCTTGACAAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTCCAAAAATTTTTGCATTTGTAATTT
GACAAAACTTGGCATCTTGAAAGGAAAAGTATTGATGATAATTTCTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12759XM_002319681|Populus trichocarpa histone ubiquitination proteins group
(HUPB902), mRNA

AATGCAATAATATAAGCAGACTTTGGATTACCCCTTCGCTCTTCTGCCCTGATCGTGTTTTGTTACCGGGG
AAGTCTCTCATCGACGAATCCTTCTCCTTAACTACTGGAGAATTGTAATCGAGGTTTCTCTTTGATTAGTTTC
TAAATCCATACAATCAGTGAAGGCTCTCGCCGCGCTAGGTTACAGCCGGTGAGGATGTCTACTCCTGCAAGGA
AGAGACTGATGAGAGATTTCAAGAGGTTGCAGCAAGATCCACCTGCTGGCATCAGTGGTGCTCCCAAGACA
ATAATATCATGCTATGGAATGCTGTTATATTTGGGCCAGATGATACACCTTGGGATGGAGGTACGTTTAACTT
ACACTTCAGTTCACAGAGGATTATCCAAATAAGCCACCAACAGTCCGCTTTGTGTCTAGAATGTTTCACCCTAA
CATTTATGCCGATGGAAGCATTGCTGGACATTCTGCAAAATCAGTGGAGCCCAATCTATGATGTAGCAGCT
ATACTCACTTCTATTGAGTCGCTTCTGTGCGATCCCAATCCAACTCTCCTGCAAATTCTGAAGCAGCTAGGATG
TTTAGCGAGAATAAGCGTGAGTACAACAGGAGAGTACGTGAGATTGTGGAACAGAGTTGGACTGCTGATTAG
CCACAAAATGCTTGATAGAGGCAAACAGAAAAGATAGTCGAGTGGTTTGTGTCACGATATTGTATCTGGGAA
GAAAAGTGAATTTGTTATGTATAAACCCAATTATGTGATATGCTTGCTTGGTTTATTCAGATGAACTACTTCAGTC
TATTTTCAT

>trans_s_12760FJ834456|Pelargonium x hortorum argonaute 4-like protein mRNA, complete cds

TTGGAGATTGGGTACGTACTGCAGCTCGGTAACGAGAAATCAATGGCCACTGTCTAGAACTGACCACCGCAG
CAATAGACGGAATATCTGACTGTCCTGGAGAACCATGTGAAACATCCATACCCAAGGATAATTGTGGGAACTT
TTGAAACCATAGGAATGGATGGAGAATGCTCAACTGCTAATAAGGAATTAAGCCCACCAAGCTTGGCGTTGA
TCTTAAGGAGCACATTTGTGAGGTATTGGTCATTTACCCGTGTAGGAGCAATACACTGAGTAACAATCCAAA
TTCTGCAAGATTCTTTTTCTTCCAAGGACCATAAAGATCAGAATCTTTCTCTCAGGCAGTAGACAAAGAAGAA
ATTGTGGTTGTCCAGGAAGTTTAGACTGAACTTCTCAAACATCTTCTCCACTCTAACCATAGGTGGGGCACGT
CTGAACTGTGGATTTTCTTCAAAAACATCAAAAGGAGCCTCTATTGCGATGCCTTTCATATCACCGCATTTGAT
AAGGTCTCTGACAAGGCCACGTGTATCACAGCGCGCCGAGAAGTTACCCACAGCCCATCGCTCTATTTTAGTA
GGTTGAGCCAATTTCTTATTATTGAAATTCACCGGCCATTACGAGGAAAAAATCTTCCCCATTGCCAATTTT
AACTTGGGTGCAGGTAGAACACGGCCTTCAAATGAATGAAGCTTGAATTAATAGCAATTCACATGACCGTAA

CATTGGCTCAGCATCATATTTGTTCTTCTCAATGAATCAGACAAAACCTCATCCTTTCTTGTGGCTTTTGCCTC
GATTT

>trans_s_12761NM_119180|Arabidopsis thaliana ATDGK7 (Diacylglycerol kinase 7); diacylglycerol
kinase (ATDGK7) mRNA, complete cds

TGTGAGATCTCTTGTTGCTTTGAATCTCAACAACATATGGTAGTGGCAGGCATCCATGGGGAAATCTTACGCCA
GAGTACATGGAAAAGAGAGGATTTGTAGAGGCACAGGTTGATGATGGTCTTTTAGAAGTTTTTGGTCTAAAA
CAAGGATGGCATGCATCACTTGTTATGGGAGAACTCATCTCAGCTAAACATATAGTTCAGGCTGCAGCGATTC
GATTTGAGCTTCGAGGTGGAGAATGGAAAGACGCATTTTGCAGATGGATGGAGAACCATGGAAGCAACCG
ATGAGCAATGAGTTTTGACTTTTGTGAAATCAAGAGGGTACCTTGTCATCACTCATGATCAGCGGAGAAT
AATTAGAGAGATAAGCTACACATTGTTGATGATACTGGCAATTTCTTACTGTTAGGATTAACCATTAATGTAAG
TAACCTATGTCGTTGGATCTTCCTTCAAAGGAATGTAAATTTTTTTTTCTTCTTCTTCTTTTTTTTTATTTAA
TTTTATATTGTGGAAGTAAGTTTTTAGGTGTGGGGAGGAAAGAGTTTGGTGTTCGGATTCAATCGAAGGGA
AGAACATCTTGTTCTTGTTCTTGTTAGCTGAACTGAAAATGAGTTTGTGAGAGTGGCGAAAGCCTCAAAACGG
TATTTATTGTTTGTAACTTTGTATTCTGTGACATTAATTCATTTGGAAGCTCCCAATTTATGAGAACATTTCTT
GTAAATGCAACTGAAAACAGAATTCTAATTAATGATCCATATCCTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAA

>trans_s_12762HM122565|Malus x domestica GRF domain class transcription factor (GRF5) mRNA,
complete cds

AAGGGCTAAGGTTACATTCAGGAAAGCCAAAGATGCAACCACCGCAAATGATGCCAATGATGCCTTCATTTT
CCCCACCAATATCACCACCGAGCAGATACAAAAGTATCTTGATGAGAACAAAAAGTTGATATTGGCCATACT
GGACAACCAAATCTGGGGAACTAGCTGAATGTGCTCAGTACCAAGCTCAACTTCAGAAGAATTTGATGTAT
TTAGCTGCAATTGCTGATGCCAGCCACAGGCACCGGCCATGCCTCCACAGATGGCTCCCCATCCTGCCATGC
AGCAAGGGGGTTATTATATGCAGCACCTCAGGCAGCTATAATGGCTCAGCAATCGGGACTTTTCCCTCCAAA
AGTTCCATTGCAGTTTCGACAACCCCCATCAACTACAAGATCCACAGCAGCAACTACACCAACAACACCAGCAA
GCAATGCAAGGGCAAATGGGACTAAGACCTATTGGTGGTGCTAACAAATGGCATGCACCACCCACATCACACT
GAAAGTACCCTCGGTAGTGCTAGTGCTGGTGGCCCTCCTCGAAGTTCAGGGCAAATGATGGTCGTGGAAGT
GGCAAGCAAGACTCCGCTGATGTGGGAGGTGCAGGCACCGATGGTCAGGGAAATGCAGCTGGTGGCCGGG
GCGGTGGTGGTGTGAGGAAGCTAAGTAACATAGCCTTATGGCTGGTCCACATCCATGTGTGGCTTG
TTAATAGTAGGTGCTTCGTACAATAGAGCTTCCATGCTGTGGTGATATTAGTAGGTTGAGTAAAGAAAAACCA
AAATTCTCGATTGTTTT

>trans_s_12763NM_111078|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein
(AT3G02120) mRNA, complete cds

AACCCAAACCCTATTCCAATTCCACCATTACTCTCTTTTCTTCTCTCTCTCAAGCAAATCCTATTTCAATGG
AGGTTCTACCCGATCACACGTTCAACTTTCCGACTCTGATGACGCCAAACGGCAGCGATCCTAATCCCAGAA
CTTGACAAAAAGTTGGAAATTTCAAATCTGAGTGTAAGTACAACCTCCAGATGAGAAAACAGAAGAAAAAC
AGAGGGTTTTTGTCTCTGGAAAGGAATCCAAGGCGCCAAAAAGCCCTACAAAGCTGAATCTGGAGTGCAAAA
CTCCAACCCCGGATGAGAAAACGGATAAAAAAGAGAGGATTTTGGTTCCAAAAAAATGGGTCAATGGATCGA
TCCAAGGTGCCGAAAAGCCCTGGAAAGGTGAATTTGGAGTGTAAGTCCGACACAAAGGTGAAAATAGG
AGGCATTGAGTTACCTAAAAATGGTACTCCTAATCGCCTCAAATCCCATCGCATTCAACATCCGGAAAGGT
ATAAAAGTCCCACTGATCTGATGATTTCTCTATCAGCAAAGGCCTTCTTGCCAGAACAAGGAAAGGAGCTGT
TCCTTCCAAGAGGCATGAGTTGAGAAATTCAGAGATGAGCCTTCTATCCCAAAGCTGAACTCTAGGGATTCTA

TTCTTTTCTCTTCAAAAATTTTGCTCACTCAAATTGTGATGCAAAAATCTAGAAATCTTCTTCTTAGAAGAACC
TTCTATTTCCAGCCCCTTTATCTCTTCTTGGCTTTGTTAAGTGTTCCTCAATCTACTGTTGTGAATTACTATG
TC

>trans_s_12764X82404|P.sativum mRNA for SecA protein

AGAAATTGTCAAAGAATACAAGGTTTATACGGAGGAAGAAAGGAAGAAGGTTGTGTTAGCAGGTGGACTCC
ATGTCGTAGGGACAGAACGACATGAATCCCGACGAATTGATAATCAGCTGCGTGGTCGAAGTGGTCGACAAG
GGGATCCTGGAAGTTCACGTTTCTTCTTAAGTCTTGAAGATAACATCTTAGGATATTTGGTGGAGACCGAATT
CAGGGTTTAATGAGAGCTTTTGGGGTAGAAGACCTTCCTATTGAATCCCAGATGTTAACAAAAGCACTTGATG
AAGCCCAAAGAAAAGTGGAGAACTACTTTTTGATATCCGAAAGCAGTTGTTTGAGTATGATGAAGTCTTAAA
CAGCCAAAGAGATCGTGTGTACACCGAGAGAAGGCGTGCCTCGAATCAGACAATTTACAGTCACTTATTATT
GAATATGCTGAGCTGACAATGGATGACATATTAGAAGCAAATATTGGTTCTGATACTCCAAGTAAAGCTGGG
ATCTTGAGAAGCTCATAGCAAAAGTTCAACAGGATTGCTATTTGTTGGACGATTTGACCCAGATTTACTAAG
GAGTAAATATCCAACATATGAGAGTTTGCAGAACTATCTTCGTCTACGTGGGCGTGAAGCATACTTACAGAAA
AGGGATATTGTAGAGAAGGAAGCGCCAGGACTAATGAAGGAAGCTGAGAGGTTCTTGATCTTGAGCAACATT
GACCGATTATGGAAAGAACACTTGACAGGCACTTAAATTCGTGCAACAAGCTGTAGGGTTACGTGGATTGACAC
AACGCGATCCACT

>trans_s_12765NM_125485|Arabidopsis thaliana COB (COBRA) (COB) mRNA, complete cds

ACTATACAAATTGGAACCTAGTTGTCCAACATCCCAACTTCGACAATCTGACACAGATTTTCAGCTTCAACTACC
AGTCAATCAATCCATATGGAACAATAAATGATACTGCAATCCTGTGGGGAGTCAAGTTCTACAACGATTTGCT
CATGCAAGCAGGTCTCTTGGGAATGTACAGACAGAGCTTCTTTCCGGAAGGATCAATCGGATTTACATTT
GATAAAGGCTGGGCTTTCCCTCGGAGGATCTATTTAATGGGGACAATTGTGTTATGCCACCTCCAGAAGCCT
ATCCCTACTTACCGAACAAGGGTTCTAAGCGAGGTGTCTCAGTGTTTACTATGCTTTTGCTGATTTCTTGCTC
TCTTGTCTTTTACCATTTCGTTTGCATAACTTCCTGGTACACTGGAGTCATTCTGAAGTTTGAAGCAGATCAGT
CTGGCCCATACTATTAAGAAATGATGAATCTCATGGATGTGGATGATGACTTTTAACTTCAATTGTAGCTTC
AGGTGAATTTTGTGGCAATTGAATTCACCTTTGTAATGTTGTACTATATTACATAAACTTTCTAATATTTCCAT
GTCCGTGTCGAGATCTGTTTAGCTGTGGGAGATTGGAACATTCTTACAAAGCAATTGTTTTACTAAATGTTCT
GCTATTTTTTTTCACTTCTAGTATTTATCTTCTTCATGTATGATCATGTGATGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG
AAAAGTAGATTACAAAAA

>trans_s_12766AY110377|Zea mays CL29192_1 mRNA sequence

TTTTGTAAACACTCCTTTGAAATTTGGGTTGATTGAGAAAGCCAATGGCTGCTGGGACGTCTTTCTTGAGGC
AATGTGTAGCTACGACTACAAGAACATTGGTGACTGCGAAATTGAAACATTCCAGCTACCATTTCTCGACTTTT
CTCCTCCCACTTCGCACTCACTCTCGAAGATTGACCATTCTGCTGGTATTACAAACAATGAAGAAGTTGCTGC
TAAAGCCGCTGCATCTGATGCAGACAGTGGAGCTCCAACCATATTTGACAAAATAATATCCAAGGAAATTTCT
TCGAACATTGTCTATGAGGATGATAAAGTCCTTGCATTTGAGACATAAATCCGCAGGCTCCCGTTCATGTATT
AATCATTCCAAAGCTCAGAGATGGATTGACAGAGCTGGGAAAGGCTGAAGCAAGACATGGAGAAATTCTGG
GTCGGCTGCTGTATGCAGCCAAAATAGTGGCTGAAAAGAAGGTATTGTTGAAGGATTTGAGTAGTCATCA
ACAGTGGTGCAAGTGCTTGTCAATCTGTGTATCATCTTCACTTGCATGTTTTGGGAGGGAGACAGATGAAGTG
GCCTCCAGGTTGAAGGCAACCACATTTTTGTAATGTAATTATAGGTAAACTCTTTTGATATGTTTTTTTAC
TTGTATCTGCATTCACTGAGTGAGAACTGAGAAAAATAAAGGACAACGTTGACTTCTGCAGATGTGAATCAAA
CTCAATGGGCGTATCCGATTATTATTTATAACAGCCCAATTAGTGTTCAAAAA

>trans_s_12767AB027757|Cicer arietinum mRNA for NADPH oxidoreductase homolog, partial cds

AGTTGGAGGCGATATGTTTAGTTGTGTTGAATGCATTGGCTACCTATGGACGACTAATTGTGATTGGAATG
ATCTCACAGTATCAAGGAGAAAACGGGTGGGAGCCATCAAATTACCCAGGACTTTGCGAGAAAATTCTAAAG
AAGAGCCAAACTATTGCTGGGTTCTTCCTCGTACAATATGCTCACCTATGGCAGCAACATTTGAATACATTATT
TAATCTCTTCTCCTCAGGCAAGCTGAAGGTTTTGGTGGATCCAAAAAGATTTTGGGCGTGCAGTCGGTCGTT
GACGCGGTTGAATATCTGCATTAGGCAAAAAGTGTGGCAAGGTTGTTGTATGCATTGACCCAACCTTCATTG
AACACAAATCAAAGCTGTGAACCTGAAATGCTTCTCCACCGACCAAAGTTCTGACTTTGGATTGTTGCTACAA
GAAGGGAGAAACCAAAGCCCAAGCCTTGCTGTAAAGTCTTTAAAAACTCAAACTTTTGCAGGAAAAACCTCT
TCAATGACCAATAAAATCCCATTTAAATAAAATAAAAAAGGTTTCAAGGTGACTGGAAGGTACAAAGCTCATT
TATCCTTTGGTGGCTGCTGAGAAATCTCCAAAAGCATGTTGTTGTAGGAATTATGTGATTGTCTATTTAAACT
ATGGTAGGAATCGTAGTATTGAGCATCATTTGTATGCTGTCTTTTCCTTTTATTATTAATTTTAGTTTTAATTT
AAAGAGAATGGTTTGCATTTTCTATATCAATAAGTTCGTTTAGGTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAA

>trans_s_12768NM_116973|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein (AT4G09040) mRNA, complete cds

GATGTTGCTTTCAAAC TAGAAGAGAGTGAACAGAGTGCGGTGAGCTCCGGCGATGGCTTCGGTTCGTCTTCCT
TGTTCTTCATCTTCCTCAATCCTTCGCTCTAAACACCACCACCATATTTTCTCGCACCTCTCTCATGTTGCGAAA
ATCCATCTTATCCCATCAATGGAGACTTCAATCTCTGTCTCCCGCTCTTCTCCATCTCTTCTTCAACTCCATC
TGCCACAATCCTTTGATTTCAATTATGGCTAAGAGAACCAGCAAGTTTGTCTTCCAGTTCGCCTCAACATCCCAA
GACGAAGCAGTTTCGAGCTCGCCTTCTGATATTGAAGAATTTTCTCGAACTAGACTGCTTGCTCAGAATGTGCC
TTGGGATTCTACTCCGGAGGATATTCGTTCTCTGTTTGAGAAATATGGTACGGTCCTGGATGTGGAGCTTTCTA
TGTATAACAAGATTAGAAACAGAGGCTTGCGTTTGTCACTATGGGATCACCGGAGGAAGCCCTTGCTGCGCT
TAACAATCTCGAATCGTATGAATTTGAGGGTCGTACTCTGAGGCTCAATTATGCTAAGCTTAAAAAGGAGAAA
CCCTCCCCTCCTGTGAAACCAAACCCGTTACGTTTAATTTGTTTGCGCAAATTTGCCATTTGAAGCAAGAGC
AAAGGACCTCAGAGAGTTCTTCGATTCAGGGGGTGGTAATGTAGTGTCTGCACAAATTATTTTTCATGAGAAT
CCGAGAAGGTCTTCTGGATATGGTTTTGTTGCCTTCAAAGCCAAGAAGGATGCTGAAGCAGCTATTTCTG

>trans_s_12769X83999|S.tuberosum mRNA for NADH dehydrogenase, NADH-binding subunit (complex I)

AAACCTCCCAGCTTGAGCTAGGGAAAGATATTCAATCTACCATTTGAGATTTTGTGAAGGAAGAAAACAAGT
TTCTAGTTGGATCTCCCTCAATCGCTGCGCGCTCAGGATTGAAGCACTTCATGCTATGGCACCTTTTAGGGG
CATGCTTTATCTTCAACATAGAACATTGGCAAGGCGTTATATTGATCAGTGGGGCATAGGATTGAGAGCGTTT
AGCAGTCAGGGTGCAGCAGCTCCTGGCAGTCCTCAGCCTCCCCCACCTCCCCCACCTCCAGAGAAAACCTCATTT
TGGTGGCTTGAAGGACGAGGACCGAATCTTACCAACTTGTACGGTTTACATGATCCCTTTCTTAAAGGTGCCA
TGAAACGTGGTGATTGGCACAGAACTAAAGATTAGTACTTAAGGGTGCTGATTGGATTGTCAATGAAGTAA
AGAAGTCTGGCCTCCGTGGTCTGGAGGTGCTGGATTTCCATCTGGACTTAAATGGTCATTATGCCCAAAGT
ATCCGATGGTCGCCCTTCTATCTCGTTGTCAATGCTGATGAAAGTGAACCTGGAACCTGTAAGGACAGGGAA
ATCATGCGGCACGATCCACACAACTCTTGGAGTTTGTCTGATTGCTGGAGTTGGGATGAGGGCTACTGCTGC
TTACATATACATCAGAGGTGAGTATGTGAATGAACGAAAGAATCTTGAGAAGGCCAGAAAGGAGGCTTATGA
AGCTGGACTGTTGGGCAAGAATGCATGTGGATCTGGTTATGATTTTGACGTCCACATCCACTATGGTGCTGGT
GCTTACAT

>trans_s_12770NM_001056191|*Oryza sativa* Japonica Group Os03g0266200 (Os03g0266200)
mRNA, partial cds

AATTTTGGTGAAGATGGTGGATTTGCCCCAAATATATCCAGTTTTAAAGAAGCCCTGGATCTTGTAGAAGAGG
CTATTAACAGAGGAGGGTATAACGAGAGAATCAAGATAGCAATAGATGTTGCTGCTACTAATTTCTGCATGG
GTACCAAATATGATCTTGACTTCAAAGCCCCAAACAAGTCGGTTCAAATTTCAAGTCAGGAAAGGATATGAT
AGATATGTACAAAGAACTATGTGCTGACTATCCTATTGTATCAATTGAAGATCCATTTGACCGGGAGGACTGG
GATCACACCAAACATTTTTCTAGCCTTGGAATTTGTCAGGTAGTGGGAGGTGACTTGTTAATGTCAAACAAAA
AGCGCATTGAGAGAGCAATTGATGAGTTCACCTGTAATGCCCTCCTCCTCAAGGTAAATCAGATTGGTACGGT
TACTGAAGCCATTGAAGTCGTGAAGCTTGCTAAGGACGCCAATGGGCAGTTGTGGCATCTCACAGATGTGG
AGAAACAGACGATACTTTCCTAGCCGATTTATCGGTTGGACCTTCCACATGTCAGATCAAAGCGGGTGACCT
TGTAAGAGGAGAACGGTTAGCCAAATATAATCAGTTGCTCCGATTGAAGAAGAGCTTGGAGATCAAGCAATT
TATGCTGGTGAAGATTGGAGGGCAGCTTGCTGATTTTTGTTTGTTCATACCTCAAATTTATGCGGATCCATAC
GATTTCTTCCCATGACTTGACAGCAGGGTACGACTCCGACCACAGCGCTGATTCTTTATTCTCTCCTTGTTTC
ACCAGAATA

>trans_s_12771BT010646|*Arabidopsis thaliana* At1g77230 gene, complete cds

AAAAAATTTATGTCGTTGTTCTGACTGAACTGTTGGAGACTACTATGAATCTCATCTGGATATAACAAGGCCAA
TAGTAAGAAGCGATCTCTCGACCAATTTCAAGCCGTTCAAATCTTCTTTTGGAGGTACCTGGCGAAGTGGGG
GAAGACGATGCGGCTAATCCCCTAGATAAAGAAGTAACCGCCAGCCGGTAGACCAAAGTGAGGGTGAAGC
TTCAGAACGTTTCGTTTTAGACCTCAAACGTCTCGCTGAATCATTTCAGCTCAAGGCGATACGCTTGCTGAGA
GAGGGAAATTCCGGGAAGCTCTGGGAAAATGGGAGACTGCTCTTACTTTGATGCCCCGAAAATGCAATTTTAC
ATGAGCAAAACGAACAAGTTTTACTGGAGGTTGGAGAAGCTTGGGGTGCTTTGAAGGCTGCAACCAGAGCTA
CCGACTTAGATCCATCATGGCCTGAGGCGTGGATCACTCTTGGTAGACCACAGTTAACTTTGGTGAACCTGA
TAGTGCTATACAAAGCTGTGACAAAGCACTGGCCATTAAGCCTGATTCTGGGGATGCTCAAGATGATCGACAA
ACTGCAATGCGTCTTATAAAGCGGCGAAAACAGCTCCATTCATCTGGGTTGAGCAGTTCTAACAATCGTTATTT
GGTGGGAGAGAAGTTGAACAATGCTGATGGTACATGAAGTGTATTCTGGTAAAGGATCGGATATAGTTTGTA
ATTTAGGTTCTTAAAGCAGGGTTGAGTTTCCCCTGATCAAAGCACCATGTACGTTTATTCTCAAAAAAGAA
AAAAA

>trans_s_12772AJ586509|*Fagus sylvatica* pk4 mRNA for serine/threonine-protein kinase

ATTCTCATTCCTAATTGTAATCTTTCAAAGTAACATCGCCCAATGCAATGCCTCTCCCTCTATCTCGTTTATGG
CTTTCTTGCTGACCCACCAACTATATATGGCGAACACATTTTGCTTTCTGGATCTAATCCCTACCCTACTCCCCA
TTTTAGCTCTTCTTTACCAGCCTCTAAAATCTTCTTCTTCCCAATTCCTTTTTTCTTTGTTTTTCTTCTGGGT
CTCTTCTTCTTTGATTTTGTCAGATGGACAAGTATGAGGTCGTTAAGGATTTAGGTGCTGGCAATTTCTG
GCGTTGCCCGACTCCTCAGGCATAAGGATACAAAAGAGCTTGTTGCTATGAAGTACATAGAACGTGGTCACAA
GATAGATGAGAATGTGGCAAGAGAGATTATAAACCATCGATCACTTCGCCATCCCAATATAATTCGTTTCAAG
GAGGTTGTTTTGACCCCAACGCATTTGGCTATTGTGATGGAATATGCTGCTGGAGGAGAGCTGTTTGAAAGAA
TTTGTAATGCTGGCCGTTTCAGTGAAGATGAGGCTAGATATTTCTCCAGCAGCTAATTTCTGGTGTGCTGACTAT
TGCCATTCAATGCAAATTTGTCATAGAGACCTAAAGCTAGAAAATACGCTCTTAGATGGAAGCACAGCACCCC
GCTTGAAGATATGTGACTTTGGTTACTCTAAGTCATCCCTGCTGCATTCGAGACCAAAATCAACTGTTGGTACT
CCAGCATATATAGCACCGGAAGTTCTTTCTCGAAGAGAGTATGACGGCAAAATGGCAGATGTA

>trans_s_12773XM_002890622|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* phosphatidylinositol 3-and 4-kinase
family protein, mRNA

TAGACGAATCGGATTTTAGCGAAGGGATAGAAGCAGATGACTTTTACCCAACAACACCATATCACTTCAGTGT
CGGTAGTGGTATACATGGACGTTTTCTCTTCGTAAGTGGAGGAAAGCATCGAGGAAGAAAATGACGAGGA
AGATGAACGAGCAGGGGGCTTCACCAATCCGTTTTCTCCGAAAGGATTCCAATTTCAAAGCTTTCCATGT
CACTGAAGAATACCAGTCTAGGTGAGAAGAATAAGAAACATAGCAAATACTTTGGAACAAGACCTGACAATG
GATACATGATGACCAATACATCATCTGGACACCGAAGTGCCAATGAACAGCTTCAGCTAGTGTAAACATTTGT
GAAGCTAGCTGATATGAATGAGGATTCATGGTCATTGTTCTTAGACAAGTTTCAAGAGTTACTTCACCCAGCAT
TCCCCAAACGAAAATCTGCTACTCTAGGTGAGAGACAGAGGCAGAGGCTTGGTACTTCTTGCCAATTTTGAGA
TTGAGCAACCACCAACCTTGCTGTTCTACATCATTAGAAAAGTTGATTGATGAATTCAGCAAAGGGGTTTTCTGA
TTTCTCTCCGAGAGATTACATTTAGAAGATCAGGGTCGGTCAGTACTACTACTTCTACGGCTGAGGTAGTCTCT
AATGTAAATATTGTAGCATCTCAACTTAGTAGATTTGGTTGTAGTATTTTCTTTTCTTTCTTCAAAATTACTTTG
TTCTTCTAGCTGTTCTACTACCACCTGTTATATAAATAACTTTTAGAATAAATGTTAAGAGGAAATTATGT

>trans_s_12774GQ853587|Physcomitrella patens subsp. patens TONNEAU1 mRNA, complete cds

AAGTCCGGCTGATAATGTCATTGCAGTTGTAGAAACAGTTGTATGTGATGAAGCTGATGTACCCACAGAAAAAT
GAAAGGTGCCACTGACAGATGGTGTGCGGAGATTCAAAAATGGCCATATGCAACGAAGCTGATGTTCCACCA
GTCAGTGACACGGTGAGGGTCCGGCCAATAGTTTCACTTCAGTAGAATTAACCATACATGATCAAGTTGATG
TTCCTCCAGTTAGCGACTCGGCAAATGCTCCAAATGATACCTCTACCATATGTGATCAAGCTGATGCAACTCCA
GCTTCCGAGTTAAACAGGATCCAGTTGATAGTGCCACCCTGGCATGTGATCATGCGGATGTTCTACAGTTTC
AGACTACTGCCAGAAAATAAGTCTCCAACTTGGACCTGCCTTCTGGATCTCCACCAAGTGAAGGATGAAACC
ACTGTGCGAGACCCGGGAGCGGTCACTGGAGGAACTCCAGTTAACCAAAGTTCAGTTGAATCCGAAACAGAG
GATCCAAAGCAAAGTGAATGAATGTAGAAATCTTCTGTAAATTTTTTTGTATTGCCCTGGTATCCAAGTTTTTA
ACCCACCGGGGAAATTGTAGCTCCAATTTATAGGAATCTTCTATCATTTTGTATGTATATATATACACAC
ACCAATTATGGCTTAGATTGCCCTTCTATATAATTAATTATTCATGGCAGATTTATGGTTCTTGTGAGAACCCAA
ATACTGCACTGAACAATCAAATCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12775AY072802|Cucurbita maxima calmodulin-like-domain protein kinase CPK2 mRNA,
complete cds

AGCTCAAATCATTTCTTTCACTGTTCCCATGGATTCCATTTTGTTCCTCCATTGCTACACCACCATCACCAAC
ATCAATCCGGTTTTCTGTATTTGATTGATGATGTTATTGATGAGACTTAAGTGTGAGATTGGGTGTGAGAGA
CCGTAAAGGTCCGAGTTGAAGTGTGATTCTTTGTTTCATGGGCAATACCTGCCGTGGATCTTTAAAGGGAAT
ATATTTCAAGGCTACAGCCAGCCGAGGACAGCTCAACTCCAAATCTAAGCGCAATACCAACACTTCTGCTG
ATCATTCACCTTCGAGCATCAATACTAACAATCTTATTTCTCAAGAGTTTGCTAAAGAAAACAAAATCAAATCCA
AAGACAACGATTGTAATCCACCTTCTTAAGTCCCACGAAGAAAGACTACACCATGAGGAAAAGCGCTGAGA
ACCAAGCGTATTATGTTTTGGGTCATAAGACCGCTAACATTCGAGATCTCTACACCCTCGGACGGAAGTTAGG
ACAAGGACAGTTTGGAATACTTATTTATGTACTGAGATTACCACTGGCATTGAGTATGCCTGTAAGTCTATTT
CCAAGAGGAAGTTGATTGCAAAGGAGGATGTTGAGGACGTTCCGGCGGGAGATACAGATCATGCACCATTTG
GCTGGTCATAAGAATATTGTGACTATCAAGGGTGCTTATGAAGATTCTTTGTATGTTTATATTGTTATGGAGCT
TTGTAGCGGCGGTGAGTTGTTGATAGGATCATCCAGAGGGGACATTATAGTGAGAGAAAAGCTGCGGAACT

>trans_s_12776AB539049|Cucumis sativus CsPIN2 mRNA for auxin efflux facilitator, complete cds

TTATGGCTTTACAGCCAAAATAATTGCTTGTGGAACTCCATTGCTGCATTTGCTATGGCTGTGAGGTTTCTC
ACAGGCCCTGCTGTGATGGCGGCTGCTTCAGTTGCTATCGGTCTGCACGGCAATCTCCTTCGTGTTGCTATTGT
TCAGGCTGCATTGCCCCAAGGCATTGTTCCATTTGTTTTGCTAAAGAGTACAACGTCCATCTGCCATTCTTAA
TACTGCAGTCATATTTGGGATGTTAATAGCACTTCCAATCACTCTTGTCTACTACATTCTTCTCGGGTTGTAAAA

TCTCACCATTACCAAAAAACACAATCAAAGTTCAAGACAAGAAGACTATAATTCTTTCTTTTCACGTGCTGCAA
ATGGATGAACGCCATCCCGAAGATTTGATTTTCGACGATGAAGTTAGCAAAAGAAAATTGATAAGAGATTTGA
TTTTCAGCCCCCAAATGATATTAACTCAAATTAGCTAACAAAGGAAGTTCCTAATATTTGGGGAGAATACTTGC
TTTGTGGGACCAAAGTTGAGTACAAAAAAGAGTTGAAAAGACGAGAGGAAGCAAAAGTAAAGGCTACTTA
GGCTGCAGAAGAAAGGAGGCAGAAATAATGGCAAATGGGGAAACATTCATGAGGAAATCAAGGAAAGTAG
TTCTCTCTCACCTCTATCTCTCCTTTTTTCCACTTTGCTTGTAAGTTTGTTAATTTTTCAATGTTTTGGTGTTC
AAGAAGAGGACAAATTTGACTAACTTTATCATTTTATAAACCCCATATTCTCAAATAGGGATTTCAAT

>trans_s_12777NM_127916|Arabidopsis thaliana catalytic/ pyridoxal phosphate binding
(AT2G23520) mRNA, complete cds

AGCATTCAACGTGAGAGACAAAGTTAGAGGGCTAATCAACCCAGAAATTGTACAGAGGCTGGCTGAAAGAG
AGGGTATATCTCTTGGAATTGGTTTCCTTAGTCACATACGAATCGTTGAAAATCCAAGACATCATAAAGGTTTG
AACCTAGAAGACACCACCCTTTCAGACCCATGGAAAATGGGAAGCTCAGTGGAAGAGCGGGTTCATGCGG
GTTGAAGTTGTGACTGCTTCTCTGGGATTTTTGACCAATTTGGAAGATGTCTACAGATTATGGGCTTTGTAGC
AAAGTTTCTTAATCCAACCTTTATCAAAGAGGGTGCTCTTCTACAGTTGAAGAAGGTCGGAAGTATAATACC
TGAAGCAGCAGCTATTGACAAAGTAGGTACAGTTTCAAGAGCATGCCATTTGGACGAGAGGAGAGAGTATT
GAAATGGATAATTCAGAACAACAAACCAAGGGCATCCCGTAAACAATGGAAAGTGCAATTGACTTCCCACACCT
TCTCGGATGCTTTGATCTTCACTTACAGCTCTCCAGCACAAGCACATGAATTTGTTGATTCATACTTATTTTTACT
TGGATTGTTCTTTTTGAGTTAATTTCTGGTCTGAGCTCTGGAGAAATTGTTTGATCTCGAGCAGCCACGGC
ACCATGATCTTGCTAGTATATAGCTCCAGAGAAGCTCAAATTCTGAATCTGTGTAAAAGAAGTTTAGCTTAGA
ATTATGCCTGCAGTATTTAGCCAATGCTCAGAAACATTTCCCATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12778AY054140|Arabidopsis thaliana At1g65720/F1E22_13 mRNA, complete cds

ACACAAACAATCAAAACACTCGACAAAGTCTTCTTTCTTCCATTCTCTTCTCAAACCCAAGAAAAAAGTTCTC
CTTTTTTCAAACCCTTCATCCATGGCGTCGCCTCTCTTCTCCTCTTCTCTTCAACCATTTCTTCTCAATCCCTCT
CAAGCTCGTCCTTGCAAAATCCCTTTTCTTTTCTTTTCCCTTACCCTGACCGAACCCCTCGATTCCCCCATCCCT
TTCCAGATGGCCATTATCGTCGATATACCGAGTTCAAATCTTCTCCTTTTCTCTTCTTCCGATCCCCTTTCT
CCCTCCGTCGCCGACCCACCGACATCCTCCGCTTCGATCTCCCTCGTCCTACCCCTGTTTCAGCAACAACCCAA
CACTTCCCTTACGATTTACCTCTCTCCGCGATCGCACCAAGGATATTCTCAGCGTTGTTGTCGCTTTGCTCTTT
GGCGTTGGCTGTGGCGCTCTCACTGCTGCCACTATGTATTTGGCTTACTCTTTGTTGCTGGTCAATTCGGGCA
TCGCTCCTCTGTGTATGATGACTTTGGGGAGGATGATGATGATCTCAGTGATGATAACAAGGAGAATATTAAG
AAGATGGGTTATATCAACATCCCTGACGACGTTGCCCCGTTAAATCAGTGGTATAATCATTTATATATATGTT
CCGAAACCTTGTTTGTTCATCTTATAATCAAATTATACCTAATGTTTCGATTTCTGGATTGTAATTTGTCTAA
GTTTCGAACTCAACTTCTCTGCAATATTACGTGAAAACTATGTTGTTAGTTGTC

>trans_s_12779NM_179152|Arabidopsis thaliana ASP5 (ASPARTATE AMINOTRANSFERASE 5); L-
aspartate:2-oxoglutarate aminotransferase (ASP5) mRNA, complete cds

TCCTCCGTCTTGTTCTCTCTGTAACTCCAATCGCCATCGTCACTGATCTCATTTCCATCGAGATGGCTTCTTCTG
TCCTCCCTCTTGCTCCGCCTCCCTTCTTCTGCTTCACGTTCTCCTCACTTGAGAACAATAAGAAGAAGTTGAACC
TTGGAAGTAACTCTCTAAGCTTTGATCTTGACAAAAACCATCCATTCGCGAAGGCGAAGTCCTTCAGCAGGAT
ATCTATGGTTGCTTCGGTTAATGTCTCTCGGTTTGAGGGGATTACGATGGCTCCTCCCGATCCAATTCTTGAG
TTTCTGAGGCTTTCAAAGCAGACACACGGAACAACTCAACTTGGGAGTTGGTGCATACCGCACGGAAG
AGCTGCAACCTTATGTGCTTGATGTTGTGAAGAAGTTGAGTCACTTATGCTGGAGAGGGGAGATAACAAAG
AGTATCTCCCAATTGAAGGTCTGGCAGCGTTTAATAAGGCAACTGCAGAGTTATTATTTGGAGCCAATAACCC

CGTCATTAAGCAGCAACGTGTTGCGACTATTCAAGGTTTGTGCGGGGACTGGTTCTCTCAGACTAGCTGCCGCG
CTTATAGAACGATACTTTCTGGTGCAAAAGTCCTTATATCTTCTCCAACCTGGGGGAATCATAAAAATATTTTC
AATGATGCAAGGGTCCATGGTCTGAGTATCGATATTATGACCCTAAACAGTTGGTTTGGATTTTGAGGGGA
TGATATCTGATATTAAGGCAGCACCTGAAGGATCTTTTGTGCTGCTTCATGGTTGTG

>trans_s_12780XM_002877796|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRPB13.6, mRNA

TTCTTCTTCTCCTTCGTCTTCTTTCAAGAAGGCAGCTTTCTTCTTCCATTACTGCAAAACCCAGAGCTCAAAGAG
CAGCTTCACAAAGGACACCGAAAGCCATGAATGCCCCGACAGATACGAGCGCTTCGTCTGCCAGAGGGCA
CCAAAAAGGTCTCATACGAGAGAGACACGAAGATCATTAATGCGGCGTCGTTTACCATTGAAAGAGAGGAAC
ATACAATTGGAAACATCTTGCGCATGCAGCTGCACAGAGATGAAAATGTGTTGTTTGTCTGGATATAAGCTTCC
TCATCCTTTGCAGTATAAAATTATCGTCCGGATCCATACCACTAGCCAATCGTCGCCGATGCAAGCATATAATC
AAGCCATCAACGATTTGGACAAGGAGCTTGATCATTTGAAAAATGCATTGAGGCTGAGTTCGCTAAGCTCTC
AAGGGACTACTGATTTGGTTTTGAAAAGTTTGGTGGAGCTCAATACAAAATGCAGGTACAGGACAATGAGTT
ACTGACATGAAATGGATTTCCGAGAACTTTGTTTGTCTCTTTAAGGCTGCTGAAACCATCTTGTAACCTGCTCA
ACTTTTGTGTATGACAATGCATCTAAATTATTTTTTTTTTTGTCTCAGCACACTTCATGTTTGTGTTAGTAGATA
TCCTTTTCAAAGTTTCAGTTTGATCGGTGTACTTGCTCAAATTTATTAATATTACATTTTGATGGGTGTTAGATC
TCCAATATATCAAGCAGGTGATTTTTTTTTCTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12781NM_112490|Arabidopsis thaliana isochorismatase hydrolase family protein
(AT3G16190) mRNA, complete cds

ACAAAATTTTCATCTCTTTTTTTCTTTTCAGCTTCCTTTAGCTATGGCGGATCAATGGAAACGCACTGCTCTTCTTG
TTATCGACATGCAGAGAGATTTTCATTGACGAACACTCCGTCTTCGCTGTACCAGGAGCCTCCACTATAATCCCA
AGCGTCTCCACCGCTGTGCAAAATCGCAAGGAATCGTGGGTTGTTTCATCATTTGGGTTGTTGAGAACATGACG
GTGAAGGACGAGATGTTGAACGATTTGCCGCCATTACTATGGGAATGGGAAGCCGAATCCTCTTGTGAAAG
GAAGCAAAGGGGCGGAGTTAGTACAAGGGCTTGAGATTAAAGAAGGAGAATATAAAGTGGTTAAACTAGG
TTTAGTGCCTTTTTTAATACTAATTTACGTTCTCTTCTTCAAGGGGCGGGTATTACTGATTTGGTTGTCTGTGGT
GTTCAAACCCCAAACGTATCAGACAGACTGTTTATGATGCTGTAGCTTTGGATTACCATTCTATCACTCTTCTT
TATGACGCTACTGCAGCTGCGACTCCCAAAGCTCATCATGATAATATCACTGACATGGTGAACGTGGGAGTTG
AGGTGAAGAGAGTTGATGAATGGGGGGGAGTCTGATTCTGAGGCTTGAACCTAACCAATTCCAGTTGTTATA
CGATCTTCGTGTTGCTGGTGATTTTCATTTACTGCAATGAATCCATGGTGTTTGATGTTTCAGCCATGCTTCTTGT
GTTTCTTTTGGTCCACCGTTTAACGACATTCATATCGAAATAATCTTTACCTCTCCC

>trans_s_12782XM_002880100|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thylakoid lumenal 15 kDa protein,
chloroplast, mRNA

AATGCGGTTGCGGTTCGGAGGTGACGTTATCCAATTCCTATTCGAAAACAAAATTTTGAATTCGGCTTCCGGA
AATGGCTCTGCTCAACGCTTCATTATGTTGTTCCACTCCCAAATCCATTCAAGATCTCACCTTCTTCTTCTCCC
TCCATTTCCCCCGGCCCCATTCTACTTCTCAGGTATTCAACCAACAACCTGAAGCTACAAGGAATTTGGTTCTT
TCCCTTGGACAACCCACTTTTCTCGTTTTCATTTCTGCCTCTTTGTTCTCGCCGATCCTGCCCTAGCTTTATGG
GCGGAGGTCCTTACGGAGCTGGGGTCACTAGAGGTGAGGATCTCTCCGGGAAAGATTTTCAGTGGGAAGACCT
TAATCAAGCAAGACTTCAAAACGTCTATTTTACGGCAAGCTAATTTTAAAGGTGCCAAGTTATTAGGTGCTAGC
TTCTTTGATGCTGATTTAACAGGGGCGGATCTTTGAGATGCTGATCTCAGAGGTGCAGATTTTCTTCTTGCCAA
TGTTACCAAGGCAAATTTAACCAATGCCAACCTGAAGGTGCACTGGCCACGGGAAATACCTCTTCCGTGGT
TCAACAATAAACGGAGCTGATTTCACTGACGTTCCATTGAGAGAGGATCAGTGGGAATACCTTTGCAAAGTTG

CAGATGGGGTAAACCCAACCTACTGGAAATGCAACTCGAGAGACCTTGCTCTGTGATTGACGCTCAAATTATAT
GGCAAGCTATTGAAGTACAAGAACCGTATAGATCAACTTTAAATGTGTAAAGT

>trans_s_12783AF118113|Lycopersicon esculentum MFP1 attachment factor 1 (MAF1) mRNA,
complete cds

CTTCCCCTTTCTTCTTATTTCCATTTCCATTTCCATCTCCAAATCTCCTTTCCTCCAACCCACCTCTTCCTATTCA
CCCAAAATGTCTGACCCTCAGATCGCCGCCGGCACCCCCACCGAACACGATTCTCCACCCCTCCGACGGATT
CCAAGTTGGAGATCAGGCTAAGGAATCAACCAAATCACCCAAATCTTCAACACCTCCTTCAGCATTGGCCTC
CTTCCCAACGCACCCGTGACGCTGTCGTCAAACGCCTCATCGAGACCTCTCCAACCTTCGGTTCTCTCCAAG
CGCTATGGCACTGTACCCCAAGAAGAGGCCGCCGAAGCGGCTCGTCTTATAGAGGAAGAAGCCTATTCTTTCC
CCGCTGGTAAAGCCAGTGCCGACGACGATGGGATCGAGATCCTTCAACTCTATTCTAGGGAGATCAGCAAGC
GTACGCTCGAGACTGTCAAGGCCAGAGCGGCATCTGATTCTACAGCTGAAAACGGTTCGTACCTCCTGTTGT
ATCGACCACCACTAACGAGGAAACCCCATCTGTTGAACAATCCTAATTCGTCTAGGACTTTGTTCTCGTAGAAT
GTGAATTAGGTTTTAGAATGGTTCTTGAGGGTTTCTTCTACGGATATCTGTTTGTATTGCTTATGAATCTCTGA
TGCTTACATGAGAATTATTACCTTTTAATTTGAACGTCTAGGTCCTCCGCCCCCTTATATCTTGACTCGTTTTGTG
CTTTCTGTCTATTTTATATATTCTTACAATCTAAAATTGCGTTTTTCAT

>trans_s_12784NM_001062713|Oryza sativa Japonica Group Os05g0540000 (Os05g0540000)
mRNA, complete cds

AAAACCGGTTTAACTTGACCCCTTCAATAAAAACTCGACCTGTTTTGCAGCTTGACGACCACATCATGACT
TGAGATGATGTTGAACGTGGTTTTAGGGGATGGCGTCAGCACCTGATCGCATTGTGGGATTCTATCCCCGGC
TTGTCAATGGAAATCCTCTGCACCACACAGCCGAAAAATATGCCCCGATCTCATAAAGGGTACAACATGATTCTT
ACAGGTGCAGCTTTCATTGATAGTCAATTAGCTTCCAAAGGTAAGTGCAGCTGCTAAGCCAGGCAGGG
ATTTGGTTGATAAGATTTTAAATTGTGAAGATGTTTTATTGAATTTTCTCTACGCCAATGCAAGCTCAACTCAAA
CAGTAGAATACGTGAGACCTGCGTGGGCAATCGACACATCGAAGTTCTCCGGTGCCGCTATCAGCAAAAATA
CCCAAGTTCACTATCAGCTAAGAAGTGAATGTCTCAACAAGTTTTAGAGTTGTATGCAAAATTTGGGGGATCG
GAAATGGGGATTGATGGGCGCAAAGATGGTTGGGATTATAACCGACGAAACAGTATCTCCCAAAGAATAG
GTCTATAACTTATGTTTGACATTGCTGGTCCTTCTCTCTCGCGTCGTTTTAGTGAAGTTCCAGTGTTGAGGCTC
CTCCCCCTGTGAATTTAGTTTGGGGAGTTTGGATATCTATAGTTTCAGTCAGTGAGCTGTACATTGCTTTGTCA
TGGATTGTTTTGCTTGTTCGAAAACCGATTCCACTTGNGGTGTGCCAATGGCTGT

>trans_s_12785XM_002876163|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-glucuronic acid decarboxylase
1 (UXS1), mRNA

CAATGGACTGGTGGCACTCATGGAAGGTGAACATGTAGGACCTTTCAACTGGGTAATCCAGGAGAGTTTAC
CATGCTGGAGCTGGCCCAGTTGTCAAAGAACTATAGATCCAAGTGCAACAATAGAGTTTAGACCAAATACT
GCCGATGATCCTCACAGAGAAAACCTGATATTAGCAAAGCAAAGTCATTACTCACTGGGAACCCAAAATCT
CACTAAGAGAAGGACTGCCTCTCATGGTGAGTGACTTCCAGAAACGCATTTTGAATGAACACGAAGGTAAAG
GTTACTGATGAAGAAAATTACAAGGAATGAAACAAGTATGTATAGTGAGAAGCAATTGAATCTAGTTGATTCA
TTCATTCATTGTCCAAATATCCTCTAAATTCATCTTCATCCCACTATAGGAACATATAAAGATTTTTTATCTTGA
TCACAAAGCGTGAGTGCCACACCACTATTTATTTCTGTTCTTTTCAAATGCGTTTTATCCATTAGATCGTGCTGC
TGGTGAAACGGTCTTTAGGCCACATTTTTGTTTCTTGACCCAGCATATGATTAGGCTACCTGAAGTTTGGT
TGTTAGAAACAGCCCAATCTGTTTGTATGGGCTTTCAGTGTCTCTTTATCTCTGGGCTTGTCATTTTGCTTGC
CCATTACACTACATATATGTATCCATGCAATAAACATCACATTACATATATTGTATTTGTCAATATGAATGAT
ATGATGGTGTGGGATTGTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12786AJ012693|Cicer arietinum mRNA for plantacyanin

ATTATTTCCATCAACATAATTCACCACATTAGTCTCTCTTTTAAAATCTTTAGCCCTTTGTTATATTTTTGTTTGAC
AAAACCTTAGAAGAAGAATGGGTGAGGGAAGAGGCAGTGCAATGGTGTGTGTTGTGATGGTTTGTGTGTTGTT
GATGCTTCAATACTCTCAGATGGCTCATGCTGCAGTTTATACTGTTGGAGGTGCTCAAGGCTGGACCTTTAATG
TTGCCTCTTGGCCTAAGGGGAAGCGTTTTTCGCGCCGGCGATACACTCGTATTCAACTACAGCCCATCAGCACA
CAATGTGGTGGGTGTGAACAGATTGGGTTACAGTAGGTGCACCACTCCAAGAGGTTCCAAAGTTTTTCAAACA
GGAAAAGATCAAATCAAGCTTGTGAAGGGACAAAATTTCTTCATTGTCAGTCTCCCTGGCCATTGTCAAGGTG
GAATGAAGATTGCCGTTAATGCAATTTAATAAAATATCCCTATATTTACCATCTAATCTAAGAGTTTGTCTATT
TTTTTGGATCAAATTTTAATTATGATTAAGTTTATAAATTACTATTGCTTAATCATATTAAGTTTGGTTTATGATT
TAGACAACTCTCATCATCGAATAAGACTGAGTACTCTTTTCTAATTTAAAGTGTGTGCTAATTAGTTTGCTTTG
AGTTTTAGTTTGTGTTGTGAGGATGTTTTGCTTCACATGTACCGTATGGAATAAAATTAATACATCAACTATTA
TTACTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12787NM_127699|Arabidopsis thaliana ubiquitin fusion degradation UFD1 family protein
(AT2G21270) mRNA, complete cds

AGCACCTTCTTTGCTTATGATCATATTCGGGTTTCCAAATCCGCAAAATCGGACGCTCATCATCGAAACCGATC
AATACTCTCTCCCTTCGTTCTTCTCTCCACCGTCGATCGTTTCATCGGCCACTCATCGCTCCGTTTCATCTCATCT
CTGTTCTTCACCATTCGATTTGGAGCCTTTAAGAGGTTGATTATCCGTTGAGGCACTCTATACAGGCTGTACAA
AATGTATTTTGTGTTGATGGGTATGGATATCGTGGAACATCATTGAGCAAAGTTATCAATGTTTCTCTACATCATTTAT
TGATAAGCCACACCTTGAACTGGAGATAGAATTATAATGCCTCCATCAGCCCTTGATCGCCTTGCTTCTTTAC
AAATTGATTATCCAATGTTATTTGAGCTACGAAATGATGCTGTTGAGCGAGTCTCTCATTGTGGGGTTTTGGAG
TTTGTGTCAGAAGAAGGCATGATTTACATGCCTTATTGGATGATGGAGAACATGCTTTTACAAGAAGGAGACC
TAGTGCGAGTGAAAAATGTCCCCCTTCCAAAGGGAACCTATGTTAAATTACAACCACACACAAAGGACTTTTT
GGATATCTCGAATCCCAAAGCAATCTTAGAGACAACACTTAGGAATTTCTCCTGCCTCACCCTGGAGACAGT
ATTATGGTGGCATATAACAACAAGAAATATTACATTGACATAGTCGAAACGAAGCCATCCAATGCAATAAGTA
TCATTGAGACAGATTGTGAGGTGGATTTTGCACCTCCCTGGATACAAAGAACC

>trans_s_12788NM_105359|Arabidopsis thaliana serine/threonine protein kinase family protein
(AT1G66880) mRNA, complete cds

ACGTGGATCCGGAGTATTACAGTGTTATCAGCTTACAACCAAGAGTGATGTTTATAGTTTTGGCGTCGTATTA
ATCGAACTTATATCGTCAATGCCAGCTGTTGATATAACAAGGCATCGACATGAGATTAACCTGTCTAACTTAGC
TGTGAACAAAATTCTAAGACAGGAAATTGACGAGCTAGTTGATCCATGCCTTGGGTATCAATCGGATGAAAAC
GTCAGACGGATGATAATGGGAGTGGCCTGGCTAGCTTTTCTATGTCTGCAGCAAGACAAGGAAAGAAGACCT
ACAATGGAAGAAGCCTTAGAACTTTGAAGAGGATTGAGAATGGGGAAGAAAGTGAGAATTTGCTAGATAA
TAGTGCATTGCTGAAGAGCTATGATCCAACCTCTTCTCCAGAGTATGATGAGATTCAATTGTTGAAGAACAAA
ACGCAGCAGTTGTTGTCCCCTACTTCTGTTGCTGATAAATGGATAAGCTCAACTTCATTTGTTAGTGCTTCACT
TCAATATCATCTAAGTCCTAATTTTTTTTTTTCTTTCTTTTCAGTTTAATGTTAGAAGTTCATATTATTAGTGTA
GGAAACAAATAAATCACTTCCCTCCTTATATGCATATATTTAACACAAAATTACTATGTATCTGTGAGTGGCTTT
TTTGTAACACATACATTCAGGGTAGGGAATGTAAATAAGAATGATTGAAAACCATTCGGCTGTAGAAATCAA
TGTTCATACACTTTTTCTTTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12789U01964|Glycine max cv. Dare photosystem II type I chlorophyll a/b-binding protein
(lhcb1*7) gene, complete cds

GCATGAATAAGACTTGGGTTTCCAAGATAGTCTAGGCCACCCGCACTTACGAGGACTTACTTCCTTTGAGTTGA
AGTTGGTAGGCAATGGCAGCCATGGCTCTTTCATCTACATTCACAGGAAAAGTTGTTCCCTTTGAATGCACCTAC
CGAGCTCTCATCCTCGGTTTGAAGCAACGGTAGAATCTCAATGAGGAAATCCGGAAGCCAGCAGCTTCCTCA
GGCAGCCCATGGTATGGTCCCACCGTGTCAAGTACCTTGACCGTTCTCTGGTGAGCCTCCATCTTACCTCAA
AGGTGAATCCCTGGTGACTATGGTTGGGACACTGCAGGTCTATCAGCTGACCCAGAGACATTTGCCAAGAAC
CGAGAGCTCGAAGTGATTCACAGTAGATGGGCCATGCTTGGGGCTCTAGGATGTGTATTCCCTGAGCTTCTTT
CAAGAAATGGAGTCAACTTTGGTGAAGCAGTTTGGTTCAAGGCTGGTTCACAAATCTTTAGTGAGGGTGGCCT
AGACTATCTTGGAACCCAAGTCTTATTCATGCACAGAGCATTTTGGCAATTTGGGCATCTCAAGTAGTGTTAA
TGGGTGCTGTTGAAGGTTACCGTATTGCCGGAGGACCACTGGAGAGATTACCGATCCCATCTACCCAGGTGG
TAGCTTTGATCCCCTTGGGTTGGCTGATGATCCAGAGGCATTTGCAGAACTTAAGGTGAAAGAACTTAAGAAT
GGTCGTCTTGCAATGTTTTCCATGTTTGGGTTTTTCGTACAGGCCATTGTAACAGGAAA

>trans_s_12790XM_002871645|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata structural maintenance of
chromosomes family protein, mRNA

AAAGTTTTAGTCGCAATTTTCAAGAGATGGCTGTTGCTGGAGAAGTGTTACTGGATGAGCATGATATGGACTT
TGATCAATTTGGAATACTTATTAAGTGAAGTTCAGACAATCAGGTCAGCTTCAGGTTCTCAGTGCACATCATC
AATCTGGAGGGGAACGATCTGTGTCAACAATTCTGTATCTCGTTTCCCTTCAAGACCTTACCAACTGCCCATTT
AGAGTAGTTGACGAGATAAACCAAGGAATGGATCCATAAATGAACGGAAGATGTTCCAGCAATTAGTGAGA
GCTGCCAGTCAAACCAATACACCACAGTGTTCCTATTGACTCCAAAGTTACTTCCAGAACTGGAATATAGTGA
GGCTGTACTATACTGAATATAATGAATGGTCCTTGGATCGAGCAGCCCTCAAGAGCATGGAGCAATGGAGA
TAGCTGGGGAACGTTGATGAACTACGTAGGGAAAAGCCGATGTTGATTGTCATTAGCGGATTTCTGTGCTGA
GGAAGGCAATGTTGATTAGAGTTCTTTCTATGAAGGTTGCCATGTTCTCACATCAAATAGCTGCTAGTCCTTC
AACGATTGTGATTCACTTTATGCTTTTCAATTTGTATAGTTGAACCATTAAATTCTTTTGTAAGTTATCTATCATA
TCATTTTTCTATCGGAGTACTGATGAATTAATTAATAATTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12791NM_124967|Arabidopsis thaliana NOI (NOI) mRNA, complete cds

AAAACACGACTTGGCCCAAACAAAATCTCATCTTGTTCTTCTTCTTGTCTCTCTCCCTCTCTCGCTCTTCTC
CTTCTTCTGGTGTGGCCATCCTCTTCTTCCCTTCTTCGATTCTTCGTTTACTGGCAAACCAACTTCTCCCTCCTC
CCAATCTCTCGTATTCATGTGCGAGAAGGGTCAGCCATTACCGAAGTTTGGTGAATGGGATGTTAATAATCC
TGCTTCCGCAGAGGGCTTACCGTGATATTTAATAAGGCAAGAGATGAGAAGAAAACCGGTGGCCAACTGA
ATCACCCGGAAGGCACCTCAGGCCAAAAATGTAGCAGATCCTGGCAAACCTCAGGCTAAGAAATGGTTCTG
CTGCATTAGAGCCCGCCTACACAATCTTGATGGTATTACCTTCTGTAGATAACCACCGTATTGTGCTAAGAT
CGTCATTACTGGTTTTGATAGAAATATGAGATTTTTAAAGCTGCGATCAGCTTGCTATACTATTGCTTCATAGT
CTGAGTCATGGAGGAAAAAAGTAGAAGAATTTTACGTTTTTTATTTGTGGTGCTGATGTGGTTAATTAGCTGA
GCTATGCTATATCCATTTGTCTCTGCTCCCTTTTTGTCCCTTTTTTGTGTCTTTTTAAATGCATTTTGTTCCTTAT
ATCTGATATTGAATCTATATTATTGTTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12792BT010912|Arabidopsis thaliana At1g48200 gene, complete cds

CTTGTCAAAAACGACGAACCTGAAAAACCTCCTCAGCCTCAAGGTTCCCGGAGCTTCGTTGCAGAATGGATT
TGGCCTCCAAATTCCTTCGTATTTTATCCAATGACAACAACAAGAACACCCTTATCAACGTCTGTTAGTCTTTT
CCTTCGCGGCACTGAGCGCAAGGTCAATCAAGCAGGAGAGACAAATTGAAGCTCTGGAGGCCGAGAAAAATT
CACTTCTCGATTCCAATAAAGCGTTGAAGAAAACCATGTGGGATTGGAAGCAACAGCTATTGCCCGAAGCCTC

AACCCAATCTGCTTTAGTCCCTCTTGCCAGGATCAAAGCTATCTATGGCGAAGCTCCCATTTCCCCTTCCGGAG
CAGTAAATGCCGCAACTGAAGATGCAACTTCACGAAGCTCCAACTTATGGTTTAATGTTAGGTTCACTCTAGT
TTCTTAGGTTTTGTTTCCTTTGTTTCAAAATTGGCTGAAGAATCAAACCTCATTAAAGATTGCATATTTCTATGCTC
GAGGCTAAACAAAAAGTAGTGCAAGATATAAAGAATTAGATTTTTCTGTTTTACGCACGAATGTATTCTTATCA
ACTTCGAAGTCAGAGATCTTATCCCTCCTCCACATTCTCAAAGGAAATCAAAGGAAAAAAGAAAAATGT
CTTTTAGTTTGCCTAATCCTCTAGAATAAACAGCAATTGTAGTCAAAATCTCCATGATGACAAAGCATCATTA
TACAACCTTTTGCAACTACTTCAAATAGGTCAAAGTGTGGTTTTCTGCTCTG

>trans_s_12793XM_002320356|Populus trichocarpa glutathione peroxidase (PtrcGpx4), mRNA

AAGAAAGGGAAGAGAAAGAAAATGGGTGCTTCTCAATCAGTCTCTGAGAAGTCCATTCATGAATTCGTGGTG
AAGGATGCCAGAGGACAAGACGTGGACCTTAGTATCTACCGGGGAAAGGTTCTTCTGTGGTAAATGTTGCTT
CAAATGTGGTTACACAGATTCTAATTATACCCAACCTGACGGAACCTTACACCAAATACAAAGAAAAAGGGTT
AGAGATCTTGGCTTTTCTTGCAATCAGTTTTTGAATCAGGAACCTGGATCCAGCCAAGACGCACAGGAATTT
GCCTGTACAAGATTCAAAGCCGAGTATCCAATATTCCAAAGGTAAATGTGAACGGGCCTGATACGGCACCC
GTCTATAAATTTCTTAAAGCTAGTAAACTGGATTCTTGGGTACTAGAATAAAGTGGAATTTCACTAAGTTCTT
AGTTGACAAAGAAGGCCATGCCATCAAACGCTATGGCACAACCACTACTCCCCTGGCAATTGAGGCCGATATC
AAGGAAGCACTTGAGAAAGTTTAAGGGGGTGAGCCTGTAATGTACCGGAACCTAAGCTTATATAGTCTCTTAC
CTAGAGACATTATTAAGCAAGATTTGGGTGTATTTATAAATTGAACTGATCATGTATGGATTATTTGACTGAC
TTCAGCTCGATCAAATTAAGCCCAACGCCGTATCCCTCCTGTGTATTATTTATCAACAATTGTGACAATGGAAG
AATAACGAAAATTATAAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12794AF144706|Pinus taeda small zinc finger-like protein (TIM13) mRNA, complete cds

AAGAATGTTGTAAATACTTTGCTATTACATCGTCATAGGGATTTAGCAGCGGGGTTTTGCCTTCTCCTATCAA
CTACTGATCAGATTCATCAAACCCATAAAAAACCCAGAGCTTCGTTTTTGAAAATTTGCTTTGGCATTTCATTTTG
AATTTCAATGGCTTCTCCGAACAATATGCCATCGGCTGTCGACAAGGAACAGATATTTGGTATGGCAGAAAAAG
GAGATGGAATATCGAGTTGAATTGTTCAACAAGCTTACACAATCATGTTTCAACAAATGTGTTGATAAGAGGT
ATAAGGAATCTGAGCTGAATATGGGTGAAAATAGTTGTATTGACCGCTGCGTCTCCAAGTACTGGCATGTAAC
CAATTTGATCGGCCAGCTACTCGGGTCTGGTAGACCTCCAATGTGAGCTGATTCATGATTTGTATAATTGTCAG
TGAGTTGGGAATGAAGAACTTTTGGTTAAGCATTTTGGTCTGATTAGTTCTCCATTTTCATGAAATAATTTAGT
TTTTCTGTCCGAGAAAGCATTGATAATGACACATTCCTTGTCATTTTATAGTTTTCATTTACCATTAACTATGA
ATTTAAATTTCTAGAAAATATTCGATTGGGTCTCTATACCCTTTCTTTTATTAGTTCTCAAGATCCTACTGGCTA
TGCTTTGCCTCTTGAATATCTTCCTTGCCAATTCCTTGATTTTAATGGCTGAAGAGGAATGTTAAATAAAGTATT
GTAGACTTCTGTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12795NM_001188564|Oryza sativa Japonica Group Os08g0278966 (Os08g0278966)
mRNA, complete cds

TCTTTTGTTAAAGTAGATAAAATAATCATAATATATTGTTATTAATAAAAAACCATATCGACTCTCAAAGTTTTGTT
CATCATTTATGCTTTTGGGGTTTGAATAAAAGAAATTGTTAGGGGGTGGGGTTCTTCTTGAACCCCTAGGGAG
TGAAGTGTGCTGGACCTTCGCTCGCCTGCCTTCTGCTTCGTCGCGCCTATTGCAATTTGCGAGCGAACATG
CAGGCCAGCGATAGATTTAACATCAATTCCCAGCTTGAGCACCTTCAGGCTAAATATGTGGGAACCGGGCATG
CCGACTTAAACAGATTTGAGTGGGCAGTGAACATTCAGCGTGATAGCTATGCATCTTATGTTGGACATTACCC
CATTCTAGCGTACTTTGCTGTAGCAGAAAATGAATCTATTGGGAGGGAACGCTATACTTTATGCAGAAAATG
TTACTACCCTGCGGCCTTCTCCAGAAAGAGAAGATGATTGAGATTGTTATCATTAAAGTAATTTAAGTTGTAGT
TAAGATTGCGAATGATTAGACATTATAGGGTTAATGAATTTCTTCTTTATGAACCAACGATGTGTTTGTATGGT

AGGAAGTGACGATTCATTTTTCCATGTTCCGGTTATGTAAGGTTTACGCATTCCCAGGTACTATTTCTCGACC
TCGTCTTTTTGTTATAAGAACAAGGTCCATCTCATTCATAGTTTATAAAATTGTTGTAACTATAATTACATAT
AATAGCTGTTGGCTGAAATAATTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12796AB021178|Nicotiana tabacum TERN mRNA for NAC-domain protein, complete cds

ACACAATATATGTAATCAATCTCTAATTAACAGATGAAAAAGAAAATGGATCATGAGGCAATTCGTGAAGAAG
AAGAAGAAGAAGATCAGATTCTACCGGGGTTCCGATTCTTCCGACGGAAGAAGAATTGGTACTGTTCTATTT
GCACAACCAACTTCAGGGGTGGCGTAAGGATATCCACCGTGTGATTCCGGTGGTTGACATTTACGAGATCGA
ACCATTCAATCTCTCAAGGTATTCAGGAGAAAGGTGTAGGAGGGACAGTGAGCAATGGTTTTCTTTGTGAAG
CAACAAGAGCGAGAAGCGAGAGGAGGGAGAGCAAATAGAACAACGTCGTCGGGCTCTGGGTATTGGAAGG
CGACGGGGTCTCCGACTTACGTGTACTCGTCGGAGAATCGGGTGATTGGAGTTAAGAAAACGATGGTGT
ATAGAGGAAAAGCTCCGACGGGAATAAGACTAAGTGGAATGAATGAATATAAAGCCATTCAAGACATTA
TTCCTCCTCATTACCCTTCTCTTCTACTCCATTCTCAGTTACGACATGAGTTGAGTTTGTGTGAGTTTATGT
GGTGTCAGGAAGTTTTCGAGCATTTGATCGACGGCCATTAGAAGTTTACAATCGATCAGTACTATAAAACAAG
ATCATATATACACACGACAACCTTTCTTTACATTTGGATTATCTCATGAATCCAAGATGGTTGATCATTTTTTT
TTTCTATTTTGTGATAATAATAATGACAATACCAATACATCCATTTTCTCATTTGGTTTT

>trans_s_12797AB435244|Cucurbita maxima CmPhoH1 mRNA for alpha-1,4-glucan phosphorylase H
isozyme, complete cds

CTGCTGCTCAGCTTCATTCTAGAGCTCAACAGATATGTGCCGTTCTATATCCTGGAGATGCTACAGAGAATGGA
AAACTCTTGAGACTAAAACAACAGTTTTTCCTTTGTAATGCGTCACTTCAGGACATAATTTCAAGATTTAAGGA
GAGAAAGCAAGGGAAAGATTCACGGGAGTGGACTGAGTTTCCAAGCAGAGTTGCAAGTGAATTAATGATA
CTCATCCAACCTTGCAATTCCTGAAGTATGCGATTACTGATGGATGAAGAAGGTCTTGATGGGATGAAGC
ATGGGATATAACTACAAGGACTATTGCTTATACCAACCACACTGTTCTTCTGAAGCACTTGAGAAGTGGTCAC
AACATGTGTACACCTTGCTTCTTCCGCGCCATATGGAAATCATTGAAGAAATTGACAAGAGGTTTGTGGCGAT
GATCCATGCTGCTCAAAATAATCTTGAGCATAAGATAGACAGTTTGCATCTTGATAATAACCTCAGAAG
CCAGTGGTTTCGGATGGCTAACTTGTGTGTTGTATCTGCACATTCGGTAAATGGTGTTGCTCAGTTGCACACCG
ATATCTTAAAGGCAGAGTTATTTGCAGATTATGTAACAATATGGCCAACAAAATTTCAAAACAAGACAAATGG
CATTACTCCACGTCGATGGCTCCGATTTTGCAACCTGACCTAAGTACCATAATAACCAATGGTTGAAAACAG
AAGAGTGGGTGACAAACCTTGTGGACTCCATCTTGAGAATGAGGGCACGTCACCCGTGT

>trans_s_12798BT023479|Arabidopsis thaliana At5g62820 gene, complete cds

GGAAGATCGCCGGTGAAGCAAATGGCGCCGATGTCGAGGAGGTGAAGGATGATGCGTTGATGAAGGCGG
CTTTAGGTTTTAGAGTGTGTGAAGTGGCGGTTGTTTGATTTCTTTTCGGTTATGGCGTCTGATAAACTCAG
GGTTGGAGTGGCGATTCTTTGATCAGTACAAGGAATACAGGTACTGCCTCACTGTGAATATAATTGCTTTCG
TATATGCAGCATTTCAAGCATTTGATCTTGCTTTACTCTAATCAAGAAGAACCATATGATACGTCATCAATTC
GTTGTTATTTTGAATCTTCATGGATCAAGTATTGGCATATCTTCTCATATCATCGTCTTCTCGGCTGCAACAC
GTGTTGATGACTGGCAATCGAATTGGGGAAAAGACGAGTTCACGCAGCTGGCGAGCGCATCGGTCAGCATGT
CCTTCCTTGCTTTGTTGCATTTGCTTTTAGTTCACTTATCTCTGGTTACAACCTTTGCACCCGCGATCCTGCATG
ATATTAATTAATAATCTCAAGCATGTTGTTTTTTTTTTTTTCAAAAAAGAGAAAATTTTCATATTGATTGTCAAT
CCAAATATTATTATAATTTTTTTCTTTATTATGTTGTACAGAGATATCATAGCTAGATTGACCTTACAATAAA
GAGGATACCAAATTGTATAATTATTGGATTGTTTTATTGCATATTTTAAATATATAATATATAAAATGAAGCTT
CTTTTGCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

GAGGATTTCTTGGACAGTCAGTTTATAGAGCTGCAGAACTGCAAGATGAGGGCAATCCAGATTTTCATTGTTG
AAGTGGTGTCTCTTTTCTTCGAGGATTCCGAGAGGCTTCTCAATGATCTCACAGCAGCGTTTGATCAACCTGAT
GTGGACTTTCAAAAAGTTGACGGCCATGTTACACCAGCTTAAAGGAAGCAGTTCAAGCATAGGTGCACAGAGA
GTTAAAAATGTCTGTATAGCCATGCGAAGCTTCTGTGAGGAACAGAACATTGATGGATGCCTAAGATGTCTGC
AACAATTAAGCAAGAGACCTGCCTCGTGAAAAACAAGCTTGAGAATTTATTCAGGATGGAGCAACAAATTAT
GGCTGCTGGCGGGTCAATTCCTTCGACAGAATTGATATTCTAAGTTGAACCCAAGAGCTAAGAGAATACTTCT
TAAGAGTCGCAGTTGATGGGAATGTAGTTTTTCCATTTTCTTGGGGGTCCTTGTGAAGTTATTGTTATTCTGTTT
GATGAGATCTGTATGAAAGTTTTCAATGTGTGAGGAAGTATTTTCTAAACATGTCACTTCTCTGTGTGACGTC
AATGCTAAAAGAAGGGTGTATTTAAGATTCCAAGGAGTTCCACATT

>trans_s_12803XM_002874323|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata seryl-tRNA synthetase, mRNA

AATTAGGCCTTCGATTTCTTCCCTTTGGAATCGTTCACCGTCGGTTTAGTTTTGAAGGGTAGAGATGCCTTTCCA
CCCAATATGGTCGTAGAAAGTTCAGGTACTTCAACCCCATCTTCTTTTTGGTAGTTCTCAAGAATGCAGCATAG
AGTCCTTTCTGTTGCTGTGAGTGTAGAATTTAGCAAATGCATATACTGTTTCGTCTGCTCGTTGCTCTTTTTCTG
ACCGTATCGGATCTCTAACCTTCTGGACTGATAGTCAGTGCAATTAGAACATGATACTAACTCCCTGTAAGTCT
GAGATGCAGGAAACCATGCTTCTAAGTCATATTTCTTGGCAGCTGCATCATTTAATGCACCAGAACTATAGCT
ACAATTGGTATGGGATATTTAACGTCTTGTAGAAGTCCTCGGAATTTTTATCATCTCTTCATGCATGTCCCAA
GAATCATTGCCATTAGGGCTGGTGATACAAAATTGCTCTACTTTCTCGAATTGATGGACTCGGAAGATTCCAA
GAGTATCTCGGCCATGGGAACCTGCTTCTTTACGAAAGCAAGATGAATATCCAGCATGCCTTAAGGGCAACTG
GGAAGGATGAATCCAATCTTCAAGATGATATGAACAAAGTGGTTGTTGAGCCGTGGCAATTAGATATTTATCA
TCACCTCACCAGTAACCTTATAAAGTCTTCATCAAATTGAGCCAATTGAGCACATCTAGCCATGATATCTTTT
CTCATGAAGAAAGGAGTCTGTAGTTCTGTATAACCCCTTTT

>trans_s_12804AY019249|Oryza sativa microsatellite MRG1574 containing (AT)X30, closest to
marker S10847A, genomic sequence

ATCCAATCTTTTTTCTCTTCTACTCCTTTCACCATTCTTTTTTCTTATATATTCCATATATATTTTTCTCTATGT
GCAAATAAACGAAATTTCCGGCAAGGATAACCATGGAAGTAGTACCACGGCTCGTCATTGCTATGATGAAAC
GTCGATCAATATTGGTGCTTGATACCATTTTCGAGAATGAAGTTCATTTTGAAGGTGTTAAAGATCATCGAGTC
GTTTAATTCTCAAATCTACCCAAATTCTTTAACGAGGGAAGAAAGCAAAGCTACTATTATGAATTGCAATAAT
TGTTTCACCATTTGAAATTTTTCATACTTTTGAGAAAGAATAAAGGAATTTTGAAGTTGAGAAAATAAGAAA
ATTAGGGGAAAAGCACATTGTATAGTGCATATGATGAGGTTATTTCTTATGTCTTCCAATTTTTTTTTAAATTT
AATTTCTTTAGGAAGGAATTGCAGCCCCAACCATATTTGGGTGTTGGGATTAGTTGTTTTCTTTGAGTTTGT
ATTTGATTTGTTGTTATTGCAGTCTATATTATCTTCAACATTCTATATTGTCTTCAACTTTCTTTTGTTCAAAA
GAGTGTATTTGGTAATATATATGTATATTATTTGTCGTGTGTGAGAGATGGAATGTATGCCCTAACTTTGAAGG
CATGCAAAGAGAGATGAAGTAGGCCTAACTCAATTATTAGTTTATTCAAGAATGTTATATATACAAAAACAA
ATATATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12805HM235957|Galega orientalis Ca²⁺/H⁺-exchanging protein (CAX) mRNA, complete
cds

ACCTAAATTTCAACATAATGGAAACAGGGTCACTTGGACTAGCAATTATTGCCACAGCCTTCACTTTACAAGAT
GGAACCTCTCATTATATTAAGGCCTAGTTCTTCTTCTTGCTACATTATCATTGCTGCTTGCTTCTTTGTTTCCA
AGACACAAGAAGATAATAACAATGCTCCCAACTTGGGACTCCAATCTTCAAACCAAGCAATCTTCAGAGCTTA
AAGGTTTCAAAAATATTCTCAAGTCAAAATCAAATTGGAAAAGAGAGGGACTTCTTTGAAATCTCATTTGTAA
GAAGGACCCAAAAAATATCAAATGGATTTATCATAAATCTTTGATTTTTCATGGCATCCCTTCTGCTGGAA

AGCTTAGAAAATTTGAAGATGTTGGGAGTTTAATGAAAGCAGTTTGTGGGCTAAAAAATTAAAGCATTCAAAT
CTGCGGGTTTATATATGCATTATTTGTATGCTTTTTATATGCATTGTTTTATGTTTTTTGTTTTTAATTTTCCTG
TTTGTGTTCTTGACTTTAATTGTTGTAATGTAATAATTATCGGTCAAGTTTAAGTAATTAATGAAAAATTATAT
CCTATTTTTTTGTTAGAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAC
ACACTCAGCCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCGCCCGCCCCCAAACTTTATAT
ATCCCGTCAAATAAGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCC

>trans_s_12806BT020470|Arabidopsis thaliana At2g33510 gene, complete cds

ATTCTTTCTTCCATTTTCATCTCTTCTTCTTCTTCTTCTCGACGAGATGAAATCTCCCGATATGGCGGCGGTTACT
GATTCTCTTGAGCAATCTTCCGTAACCTTCCCTCAACCACCGTCTATCCTCTGCCGCCCCCTCTCCGCCGGA
GTGCGGAGATCACCGTCTTCATTTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCCTCCGATGACGAACCTCATCTCCTCTTCATCAAC
ATAATCGCTTCGACACAATCTTGAGCTCAACTCTCACATCTCCCTCCCTCCTTTCTGGGAGCAATGCCTCGATT
TGAAGACAGGGGAAGTTTACTATAGAACTGCCGAACCGGAATGAAGGTAAAGAAGATCCGAGGACAGCC
GTAGCACACAGCCGAGATTTATATTCGGAAGACGACGGGAGGACGGTGATGAGAGTTCTTCAGACGGTGG
AAGTGAGGAGTCGTGTTCTTCATCGTCGTACGGTGGTAGTAGACAGCAATATCCGGCGGAAAACGTGGAGGA
TGTAAGTGGTAGTAGCTGGATGCAAGAGATGCTTCATGTATTTTCATGGTGCCGAAACAGGTTGAAGATTGTCCC
AAATGCAGCAGCAGTCGTCTTGTTTCATTCGATCGCTCCGACGAGAGTAATGGGTTCCCATGAACCACTTTTTT
TTTCTTTTGAGAAAAACAAGAAACCAAATCAAAGTATTTGGGTAAATTGATCTGACAAATCATTGATTCT
TTTTCTTTGGACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12807AY307030|Hyacinthus orientalis cultivar Delft Blue B12D protein-like mRNA, partial
sequence

CTGCACCTTTCTGAATCCTTCTTCCCAACAATAACAACACCCGTTCTTTTCTCTATATTCCCATGGCTACCGCCAA
CAGATGGTTAAAGCCCGAGGTGTATCCTCTCTTTGCTTCTGTTGGTGTGGCTGTTGGTATCTGTGTGATGCAGC
TTGTTAGAAACATAACCACCAATCCTGAAGTCAGGGTTATCAAAGAGAGGAGAGCTGCTGGAGTGCTTGATA
ACTTTGAAGAAGGTGAGAAGTATGCAGAGCATGGACTTAGGAAGTTCCTCAGAACAGACCTCCTCAGATTA
TGCCTTCCATCAACAAATTCTTCTCCGATCCAACTAAATCAAATTCTGTTACTCACCTTTGAAATTAGTTGTAG
ATCGCCTGATGTATTTGTTGTCGATGTGTAAGTCGAGTCTTTTCAAATAATGAAGTGCTATTTAACTGATGCC
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12808XM_002949596|Volvox carteri f. nagariensis molecular chaperone (dnj1), mRNA

AATCAAATCAGGAAAATTAACCATTATTGATCACTATAACAAACAGCTGGAGAAGAAAAACAAAAACAAAAT
TCAAATAAATATGCTCAGAACATCTATACTGGGGTAGGTGGAATTGATAGATATTGAAGGCTCAGATTAATGA
AACAGCTTTATCAATCATCAAATTCTGAAGCAGAACTGGCATTATAAGCTGAAGTTCAATCCTCACAGCCAAAC
TTGAAAACAGTACCTAATATAATTGGGTATAAGAATATGTATAGCGGAAGTTTTTAGAGGTACAAACATTGAA
CATATAGGCCCCACGCGATCACCGCCGAAGACTAAATTTGGGCCTCTATGACTAGCTCCATTTTCATATGCTT
AATCTTGGATCGGCTTATATCGGCTGCTCCGACGAAAAAGCCCTACTTCATCCCCGCACTCGACGTGGACGCA
AGCCTGTTTTGAGAATGAAGGAACCTTGCTTTACTTT

>trans_s_12809XM_002500371|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3 C2 domain-containing
protein (MICPUN_56742) mRNA, complete cds

ACTTGATGGCGGGTAGGGCGAGAGTGAGGATGCCCGACGGTCGGATGTGGCACTCCGGCCGAACCCCTTCG
TCCACCAAGCACAAAGCAATCGCAAGTTATCTCGTCTCTCACGAACAAGCCCGCTTGAGTGCACGCCACACA
CCGAGGTGCAAGCATTGTCCAAGCACGCCATCCCGCTCTCACTCCTACCCCCACGTAGGGGGCCCGCATTCC

ATCGATTTTGACCAAACCTTCCACCAAGCAAGAAGCAATCGCAAGACATCTCGTATCTTCACGAACAAGCCCG
CTTGGAGTGACGCCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCAAGCACGCCCATCCCGCTCTCACTCCTTGCCCGA
CGGTCGGATGTGGCACTCCGGCCGAACCTTCGTCCACCAAGCACAAAGCAATCGCAAGTTATCTCGTCTCCT
CACGAACAAGCCCGCTTGGAGTGACGCCCACACCGAGG

>trans_s_12810NM_001070139|Oryza sativa Japonica Group Os09g0505700 (Os09g0505700)
mRNA, complete cds

AAATGGGAGTCGCTGCAAAAATCGCACCTCAATGCTATCCTCAGATTTTGCTAATTTAGCTTCGGAGGCCGA
ACGAATGCTTAAATTTGGTGCGGATTGGCTTCACATGGATATTATGGATGGGCATTTTGTCCCAAATCTGACAA
TTGGTGCTCCTGTCATCGAGAGTTTAAGAAAACATACGAAGGCATATCTTGATTGCCACCTTATGGTTACAAAT
CCTCTTGATTATGTTGAACCTTGCCAAAAGCTGGTGCTTCAGGCTTTACATTTACGTTGAAGTATCCAAAGA
CAATTGGCAGCAGCTAATCCAAGAAATTAAGTCAAAGGGCATGAAGTCAGGGGTAGCGCTAAAACCTGGAAC
ACCCGTTGAAGAAGTTTATCCTTTGGTAGAAAGTGAAAATCCTGTGGAATTGGTCCTTGTAAATGACAGTCGAA
CCTGGTTTTGTGTTAACCCACCTGCATTGAGGGTG

>trans_s_12811DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

GTACTAAGTTGGGTGACCACTTGGGAAGTCAATACCAGTATGTATTACAAATTACTATAAAGTAGGAGGGTTT
TCAATGCGAGATCTAAAAACATATCTCTCCGTGGCACCGGTAGTAAGTACTATATGGTTCGGGGGCTTTAGCGG
GTCTATTAATCGAGATCAATCGTTTATCCCGGATGCGTTGGTATTCCCGTTTTTTTTCATTCTAGTTATTGACTTG
AGAAGGGGTAGAGAAGATTAGAAAAACAATCAAAATATCTTTGACTAATCCCTTCCCTTCTTTTTTTTAGAG
TTTTTAGACTTAGAATAAGTTAGAAAGAATCAAAATGGATTCAACCTCAGTCAAACCTCGGACGCGGCCAGG
TTCAAAAAATTTTAATAAAAGAGTGAGAACGAAAATGAAAATGTGATGGCTAGGGCAACAATATCATACAAA
ATACTTAAATGAAAAACTGTACTGCGACAGATCAA

>trans_s_12812DQ001750|Cucurbita pepo voucher P.M. McNutt 025 (FLDCI) 16S ribosomal RNA
gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AAGCACACGCTTGAAAAGAGGGTCTTGAGGGAACCTAAGAGAGCCGCCGACTCCAACCTACCGTCCATGTAC
GATCCATACTAGATCTGACCAACTGCCCATCTACCTCCTCTACGTTCTTGACAGCCCATCTTTGTCTCAGTAGA
GTCTTTCAGTGGCATGTTTCGGTCCTCTTCCCCATTACTTAGAAAAAGTGAGCCACCGGTTCAAGTACAAGATA
CTATCATTACCGCTGGACAATTAGACATCCAACCCGTAATCGCAACGACCCAATTGCAAGAGCGGAGCTCTA
CCAACCTGAGCTATATCCCCCGAGCCAAGTGGGGCCTGCATGAAGGAGTCAGATGCTTCTTCTATTCTTTTATT
CTTTTCCTTGGCGTAGCTGGGCCATCCTGGACTTGAACCAGAGACCTCGCCCGTGAAGTAAATCATCGCACCTA
CGGTCCAACCAATTGGGAGAGAATCAATAGATT

>trans_s_12813X52493|Soybean RPB1-B2 gene for the largest subunit of RNA polymerase II (EC
2.7.7.6)

ACGTTGTGAGTTACGAACTTACAGTTAAGATTTGTTAGATCGTTTTGAAAGTTCAAGTGATACTTGGACATGTT
TTGAATGCGTTTTAGGTTGGTTTGACACTAAGTTTGTGCACTCACACACACGGTTGCCACTTTGGGTCTTAAA
GTGCTTTTTTACACTTTTTGAACTTTCCGCTAGGTTGTGAGCTATGAACTTACACTTAAGATGTCTTAGGTCGT
TTTTTAAGGTCCAAGCGATACGTAGACATGTTTTCAACACCTTTTAGGTTTGTTTAACTTAGTTTGTGAACT
TACGCACTTTGTTGCCATTTTGGGTCTTGAAAGGCTCTTTTCTCACTTTTTTAACTTTTTGCTAGGTTATGAGTAA
CCAACCTTACACTTAAGCTTTGTTAGATCGTTTCTAAAATTCAAGTGATAATTAGACTCGTTTTGAACACTTTTAA
GGTTGGTTTGAGGGTAAGTTTGTGT

>trans_s_12814AF435452|Nicotiana tabacum calcium/calmodulin-dependent protein kinase CaMK3 mRNA, complete cds

TCTCGCGAAACATGCAACCGATGCCATGAATGAGTCTCGTACTCTTGATTTTCTTGCAAATTTAAATACACTTCA
ATACAGAGGAATGGATTTTGACGAATTCTGTGCTGCTGCATTGAGCATCCATCAGCTAGAAGCACTTGACCGG
TGGGAACAACATGCTCGTTGTGCATACGAAATTTTCGAGAAAAACGGAAATCGGGCAATCGTCATAGAAGAG
CTTGCTTCTGAACTGGGTCTTGGACCAGCCATCCCGCTCCACGTTGTTCTTCAAGATTGGATCAGACACACAGA
TGGGAAGCTAAGCTTCCTTGGATTGTCAAGTTATTGCATGGCGTGTCAAGCCGATCGCTAGCAAAGGTGTCT
TGAACCGGTTAGCCCGTCTGGCTTGAATATCTCAGTACAGACTAGTTTGTCTGTTACAACCATACATGAG
AGCTGTTGGTTGGATCTCAAAGGGGCTCAAAAC

>trans_s_12815XM_002881643|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 26S proteasome regulatory subunit, mRNA

TGTCTTCTTCAAAAATTGGAGGCAAAACACAAACCCTAGCATCCGCTTCTGCTCCTTTATCGTTTCTCTCGGCG
ATCAATTTTCACGGAGCTAGGTTTAATCAAGCTTCAAGCAATGGCAACGACCGAGACCACAGTTTTGCAATTTT
CACAGTCTTCTAACACTTTATCTGCCAAGGTTATCCTTTGGTTATCTTCAACATTTGTGATTGCTATGTCAGGC
GCCCCGACCAGGCCGATCGAGTCATTGGTACTCTTCTTGGCTCGGTTTTACCTGATGGAAGTGTGATATTCGT
AACTCTTATGCTGTTCCCATATGAGTTCTCGGATCAGGTTGCGCTGGATATTGACTATCATCACAATATGTTA
AGTTCACACCAAAAAGTTAATCCGAAGGAAGTTATTGTTGGATGGTATTCAACTGGTACGGGAGTAACTTTGT
TACTGTACGGTCGCACATCAACCCACAG

>trans_s_12816AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GGTCCAGAATGCTACTGCAGGTACATGCGAAGAAATGATGAAAAGGGCTATGCCATTTAGAAATTGGGAGT
TCCTATCGTAATGCATGACTACTTAACAGGTGGATTCACTGCAAATACTAGCTTGGCTCATTATTGCCGAGATA
ATGGTCTACTTCTTACATTCACCGTGCAATGCATGCTGTTATTGATAGACAGAAGAATCATGGTATGCACTTC
CGTGTACTAGCTAAAGCGTTACGTATGTCTGGTGGAGACCATATTCACGCTGGTACCGTAGTTGGTAAAAGGG
AAGGGGAAAGAGAAATCACTTATAGGATTTGTTGATTTACTACGTGATGATTTTATTGAAAAAGACCGAAGCCG
CGGTATTTATTTCACTCAAGATTGGGTTTCTTACCAGGTGTTCTGCCAGTGGCTTCCGGTCAAACGAAGAAAG
GCTTACGGTGGATACCTAGGCACCCAGAGACGAG

>trans_s_12817NM_114927|Arabidopsis thaliana U1-70K (U1 SMALL NUCLEAR RIBONUCLEOPROTEIN-70K); RNA binding / nucleic acid binding / nucleotide binding (U1-70K) mRNA, complete cds

CCGCCGTTTCAGGCTCGTACTAAGGCCCAGAATCGTGCCAATGTCCTTCAACTCAAGCTGATTGGGCAGAGTCA
TCCTACTGGTCTAACGGCCAATCTCTTGAAGCTCTTTGAGCCCCGACCGCCTCTGGAGTTCAAACCTCCACCAG
AGAAAAGAAAATGTCCACCATTACAGGGATGGCCAGTTTGTGAGTAATTTGCAGAACCTGATGATCCAGA
ATATGCTCCCCCTGTTCAAAGGGTGAACTCCAGCGGAAAGGAGGGCTAGAATTCATTGCTAAGAATTGA
AAAGGGTGCAGAGAAAGCTGCTGAGGAGCTGCCAAAATATCTTGAGCGTGATGATCAAATGTTACTGGAGA
TCCATACAAAACACTCTTTGTGGCCAGACTGAATTATGAGACAACTGAGAGCCGAATCAAAGAGAGTTTGAA
TCTTATGGGCCAATCAAGCGGGTTTCGATTGATTACAG

>trans_s_12818GQ998768|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ribosomal protein L2 (rpl2) gene, complete cds; chloroplast

>trans_s_12819NM_124858|Arabidopsis thaliana THI1; protein homodimerization (THI1) mRNA, complete cds

>trans_s_12820NM_001070325|Oryza sativa Japonica Group Os09g0537100 (Os09g0537100)
mRNA, complete cds

>trans_s_12821AY058059|Arabidopsis thaliana At2g37940/T8P21.15 mRNA, complete cds

>trans_s_12822Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

ATACACGCAACTTTTTGCTATCACACAAATAATTTTTGTGTCCACTCTGCTAAGTGGAACACGATGTATAGAG
TCTGACACCTGCCCGGTGCTGGAAGGTCGGAAGGAGAAGTGTGATAAGCTTTGAATGGAAGCCCCGGTAAAC
GGCGGCAGTAACTCTAACTGTCCTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTGCGATAAGTAGCGACCTGCACGAATGGTG
TCACGACTGCCCCGCTGTCTCCGACATGGACCCGGTGAAATTGAATTCTCCGTGAAGATGCGGAGTACCAACA
ATCGAGTGGTAAGACCCCGTGCACCTTCACTATAGCTTCGCAGTGACAACCTTGATCGAATGTGTAGGATAGG

TGGGAGTGTGTGCACACACCATCAACCGAAGTCCCTCAACAGAGGGATGAGCCTTCGTAAGCCAATAATACAA
TCTGGGGATTTTTTTTTATTTTGTGGTATTCCA

>trans_s_12823GQ226036|*Jatropha curcas* stearyl acyl-ACP-thioesterase mRNA, complete cds

AGACAAGAAAGTTGTCAAAAATTCCTGAGGATGTGAGGAGAGAAATAGAGCCATTTTTATGAATACTGCGC
CTGTTATTGAAGATGATGGAAGGAGGCTTCCAAAAATCGATGATGATACAGCTGATTATGTTTCGAGCGGGTTT
GACTCCTAAATGGAGTGATTTAGATGTCAACCAGCATGTGAATAATGTGAAGTACATTGGCTGGATTCTTGAG
AGTGCCCCGCCACCGATATTAGAGAGTCATGAGCTTCTTCCATCAATTTGGAGTATCGGAGAGAATGTGGGA
GGGACAGTGTCTGTCAGTCACTCACTGCGGTCACTGGCACAGACGTTGGAACTTTAGCAACTTCTGGCGATGT
TGACTGCAATCACTTACTTCGGTTCGAGAATGGGGCTGAGATTGAGAGAACAGAGTGTAGACCCAAATTGCG
CAACAATTTTATGATCCTGGATCATATTTAGCTG

>trans_s_12824X69731|*C.laevigatus* chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase
and promoter region

CTTCAGGACCAGAAGAGCATCCTAAATAAGAGTATTATTTTTGAAATATGTCGAAATTTTTTTGTTTCGAAAAT
TATTGAAATCCAAAATAAATGTTTCGATGGAAAAGCAAGTTGATCGGTTAATTCAATAAAAAATGAAATGGGAG
TTCGCACTAGATTTTCGTTGGTACCGTCCAATGGAATCAAATTCCATTGTTAACTTATGCCATTTGAATGAGTCAA
ATTGGAAGTTCAACCAACCCATTTTCAAAAATCAAGTGGATGGATAAGAATCTTTTCGAAAAGTCTTTCATTTGC
CTATCATTATATACATTACTTATCTATGTAATTCGAACCCGAACCTCTATTTATGAGTTTTTCATTTATTGGTCCTT
ATTTATTATTTTACGATATCGATTTAGGTCTAATCTATTAGTTTTTTCTACCTATACCCTTCGTTTTTTTTTTTCA
TAGGAATTCGGCATATTTTCA

>trans_s_12825X79774|*S.tuberosum* mitochondrion nad9 DNA

TTTCTGGACCAAGCGGTCTCTGTATTTTCCTTTTTTTGGGAATTCGAATTCTGCCCTGCCCTATGAGCGGTCTCT
AACCTCTTTATTTTTGCCTGTCTCCGTTAGAATCTATTTTCGATTCTTCATTCTGATCTAGTTTAGTTATTGAGACA
ATTGAAAAAGATTTTTACTTGTTCCGGGATCCTTTATCCTTATGACGCCTGATGACGCAGTATTTATAAAGTGAT
ATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGCGAAATCTTGGGTCATCTCAATGGGTTCA
GAAACCACACGTTTCTCTGGATCATCATAGCGTACTTCCACATATCCACTCAGAGGAAAGTCTTTTCGTAATGG
ATGACCCTCGAAACCATAATCTGTTAATATACGGCGTAGATCCGGATGATTGATGAAAAGGGGTGTTGGGTG
CGCTTTGGGTCCTCTATCTTTGTT

>trans_s_12826AF240679|*Cucumis sativus* poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAAAAATTTTATGATTTTTTTGTCTTTGACTCGCTTCCCTCTCCTCTAT
TATTCAGAAAAAAGCAGTAACAGCAAGATGAACAGAAAAAAGAAAGAGAAATTGATAGTATGGAAGAA
ATAGGAAGAAGAATGTTTTGGAATTTTGTGTTGTTGTAAGAAAATTTATGGTAAACAACAGGTAAGAAGAA
AAAGAGTTTGTGTTTTAGGGTTTGTGTTGAAGGCCTCCGCCTCACTCCCTTGAATTTCTCCACCGCCGCCGCTT
TATAATGATGATCCTGAATAATACTAAAAATCCCATCCCATCTCCACTCTTGTTTAAGTTTTCTTTCAGAAGAT
GGTGACGGATCGACTCCAACACATCAGACTCCCTCCACGACGACATTATTGTTATTATAATATATCTAACTTCG
TGCAGTTAAATTATTTGCAGT

>trans_s_12827NM_001125122|*Arabidopsis thaliana* 60S ribosomal protein L29 (RPL29B)
(AT3G06680) mRNA, complete cds

AGCTCGTTCAAATTCCTCGTTCTTCATCTTCTCTCGATTTCTTCTCCAATCTCTGTTGTGCTTCCGTTCAAGAA
TGGCGAAGTCGAAGAATCACACAGCTCACAATCAGTCCTACAAAGCCCATAAGAACGGGCATCAAGAAACCAA
GGAAGCACCGCCACACTTCCACAAAAGGGATGGATCCGAAGTTCTTAGGAACCAGAGGTACGCGAAGAAAC
ACAATACCAAGAGTGGGGAAAATGCTTCTGGGGAAGAGTAAAGTAGCCGCCGCCAAGTTTAGGGTTTTTATT
ATTCAAATTTTTGTTATTGCTCTGTTTTGTTTCAGTAGTCTTGATATTTGACTCAATTTGGAGACTTTTTCGTCT
GAGGCATATTTTACGAAAATACATTATCTGATTTGCAATTTTAAAGCTTCTACTGTTGATTACATCTCCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12828Novel Gene

GGGGAACCCGTACTATCAATAATATAAAGAAGCAGACGCGGGGCCTGGCTCTTGCCCCGACGGCCGGGTATA
GGTCGCGCGCTTCAGCGCCATCCATTTTCGGGGCTAGTTGATTGCGCAGGTGTCAACAATGTGTGAGCTTAGC
GGATTTGACTTCCATGACCACCGTCTGCTGTCTTAATCGACCAACACCCTTTGTAGGAATCTGCTTTCTCACC
AGAAAGTCCTAACCAGCAACACACAGTGGTGGAGGCACCTATCTACACATTCGATCAAGGTTGTCACTGCGA
AGCTATAGTGAAGGTGCACGGGGTCTTACTCGATTGTTGGTACTCCGCATCTTCACGGAGAATTCAATTTTC
ACCGGGTCCATGTCGGAGACAGCGGGGCAGTCGTGACACCATTCTGTCAGGTCGCTTGAATACCGACAAGGA
ATTCGCTACCTTAGGACAACAATAGTGC

>trans_s_12829AY140088|Arabidopsis thaliana seed maturation-like protein (At5g14970) mRNA,
complete cds

ATGAACTCAATGCTCAGAAGCAAGAAAATTTCCAGATAGAACATGGCAGAGGAAACAGAAACGATCTGTTGG
AATATCTACGGTCGTTGGATTCCAATATGGTGACTGAACTCTGCAAACCATCCACGTCAGAGGTGGAGGAAAT
CATTCACGAACCTTGTGGAAACATATTGCAAAGGTTCTTCAAAGATGATGCTAGCTCTAGTTTCATTGAGGATT
CGAGTGTGGCAGATTTAGAGAACTTGCAAGATGCTGGCGATGAGTTTTGTGATACTGTAGGCATTCTCGGG
ATTACCTAGCAAAGCTTTTATTCTGGTGTATGTTATTGGGGCATCACTTGAGAAGCTTGGAGAATAGGTTGCA
GTTAAGCTGTGTCGTTGGGTTGTTATGAGAGAAGGAAGTGTATATTCTTCTGTACCCTTAACCCCCCCCCCCC
CGCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12830AY050481|Arabidopsis thaliana AT5g22580/MQJ16_12 mRNA, complete cds

GGGAGCAGCCATGGGAGAAGAGTTCAAGCACTTGGTGCTCGTAAAGTTTAAGGAAGGGGCAGCGGTGGAA
GAGATTCTCAAAGGCATGGAGAACCTCGTCTCTGAAGTCGAAGCTGTCAAATCCTTTGAGTGGGGACAGGAA
ATGGAGGGACCAGAGATGCTTACACAGGGATTACGCATGCCTTCTTGATGACATTTGAAAACAAGGAGGCT
CATACTGCGTTCGTGGGACATCCCAAGCATGTTGAATTCTCTGCGACATTCTCAGCAGCCATTGACAAGATTGT
GGTGCTTGATTTCCAGCTATCCGCGCCAAACCACCTCTACCGGCTTGAATATCAGCCAGTGCCTCTTTGTGTT
GGAAATGTAAACCCCTACATGATGAGTATTTTATAATAGTACTACTGTTTGTTTTCCAACAAAGCTATTCTCT
TTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12831EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GGGGTATCGTTTATTAGATATTTGTACCCTGTCGAAGTAAGGAACCATGGCATATATGTTTGGAATAGATTCC
GCCCTGAGAGAGTTGAAAAAGCACTATCTCGTTGAAAGGTTCTATACATCTGCCCTTTCTCAAGGCATTTCTTT
AGACAAAGACTCCGTTTTTCTCTTTTCGGATGGTAAATATTTCTCAGAACATGGAGTGCGAATCAAACCCAT
GTTGTCCGTGAAATTGAGATACTGATGCAAGTCTTCCCCTCTGAATCAGATAGATTATATCTGAAAGAGGTT
GACAATAAGTCTTTCAAAATTGACTATTTGTCCCTCTGTTAGAGGTGTTCCAGAAATGTCTGCGATCGAGTAA
ATAGCTCGACGAACGAATGGATCGGATCGAATTGGAAAATGGAAAGATTTGTACAAGTTATACCTTTCGTCAC
CACTTTGTGGAAAATCGTTAGGTA

>trans_s_12832AP009374|*Lepidium virginicum* chloroplast DNA, complete sequence

GGCTTCTCCCCTTTCCAAGATAAAAAAAAAAAGTAAATTATCGACTCCATCCGACTAGTTCCGGGTTGGCAGA
ATCAGCGGGGAAAGAAGACCCTGTTGAGCTTGACTCTAGTCCGACTTTGTGAAATGACTTGAGAGGTGTAGA
GCGGAAAGCGGTTCTATTAGGGGAGTTTTCCCTCCAGGCATCGTATCTTTTTTTTTCAGTGCAATAAAGTTAC
ATAGTGTCTATTTTTCTTGATAAAGGGGTATTTCCATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGTTTCATACCGTTGTATTG
AATGATCCCCGGTCGTTTGCTTTCTGTTTCATATAATGCATACAGCTCTAGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCAATGGC
CCTATACGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGATCCTGTTCTTGATCCAATGTGGAGACAGGGTATGTTCTGTTAT
ACCCTTCATGACTCGGGGCTCTT

>trans_s_12833X62457|*A.thaliana* gene for Histone H1-1flk (partial)

AAATTTGCAAAGGCTTTTCCACATATTGCGAACTTGTTGATAATGCCAGGCTCTATTCCACCAATGTATTGGG
GAAATCACGCAAATCTTGATTGGGTGGAAAGATAAAGATAAAAAAGTTATTGCTATATCCAGCAATAAATCAAA
TGTGTTTCAGTGATAAGTAAGTTGAATGATAATGCAAATTCAGTATATGAGCTTTACCAAGATGCAACTAACGT
TTTAAATGAAAAGAGTTCTATATGGAAAGAACTGTTTTGTCATCTTCAAGGCCCTCTGTTTCAGATGGAGTTGA
AGGCTTCTATACAAAGCATTGAATCAAATAGGCAATGGAAATGCTACATTTCTTTGGTTTAAGAGGTTTGA
GATGAACTTTTCAATGGCGTTGATGCTGCATGCGCCGAGCATGTATTAGTTAAAGTTATTGTCTCGTGTGTTG
GTGTGTACACT

>trans_s_12834EU017282|*Trachelium caeruleum* photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,
partial cds; chloroplast

GAGGGGACAAAGGGCTATCCAGTCCCACGAGGCTGCTAGCCCTTCCTTTCCCGACCAATCTCAAAAACCGACG
ATAATAGATAGAGATACGTAATCCCACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACA
GGGTATTTGTAGTGCATCGACTATACTGCTGTCCTAAAAGCCCCTCTTACGGGTGGATAATGTCTCTACCCCTT
GTCGGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCGGAAGCTCTACAGAATTATTATGAAGCTATGCGACTAGAAATCGAT
CCCTATGATCGAAGTTATATACTCTATAACATAGGTCTTATCCACACAAGGAACGGAGAACATACAAAAGCTTT
GGAATATTATTTTCGGGCACTAGAACGAAACCCGTTCTTACCACAAGCTTTTAATAATATGGCTGTGATCTGTC
ATTACCGGGGAGA

>trans_s_12835M88258|*Arabidopsis thaliana*

TACGTTATCTGGGTGTTGGAGAGAAAAGAGGAAGAAAGGGAACTTCAAGACTCATAAGTGCTCTTTCAGTTTC
ATTCTCTCTTAGAGCTCCTCTATTCATTGATTCCTTCTTCATATCACTTTTTAGTTTTCCACTAGGCGGGATCTC
CGCGAAGCTGCAGGATGGCTTGTAAGCAAGCAAGCAGTTATGTAGGCGCAACTCCAAGTTCTTCTCTCTCT
TTCTTTTGGATTGTTGGACTTGTTGGCAGGGTCAGGGCCTTCTCGCTGGGCGAGCGCATCCGATTCTCAAGTCC
TTTCTAAACCACTTCCCGTTCAAGTTGCTGAAATCTCGAGAAAAGCTTGATAAATGAGATGGAGTTCCACGAAT
ATGCAGGCTAGAAAGATGCTATTTGCTGCTATGAGCGGGAGGGGGGAATTAAGTTGACTCCTCGAGGCCTC
CCTCGTCTATT

>trans_s_12836NM_001064096|*Oryza sativa Japonica Group* Os06g0338900 (Os06g0338900)
mRNA, complete cds

GAATGAGGAAATGGGAGTGATAAAGGTAGCGGGCTGACATTGTGGAATAATCTAGGTCATTTATTTCTCGT
ATGGTTGTAGAAAGATTGGTGAATTTTCACTTAATGTTGTCAAAAATACTTGAGAGTAGCTTCTGATGAGGG
TGAATTTACCAGTTTTAGGGTATGTGGAAGCAAATGTAAAAAAGAAAAAATTTGGTGAATGAATTTT
GTAACATAACAAACAATGGGGTCTGATATATAAATATGAGCGATTTGCAGGACTGGTTGTTTTCTCAGTTTTC

TTTATGGTGTTCATTTGATGGATACCTTCCACATGTAAACATTATCTTCTTCTTCATTTCTAGACTGTTCTTG
AGTTGTAGTTTGAAGTAGCATTCTTCGTCTTCGGTTTTTCAAACGAAGGTAGAAGGCTAGAAAATTCTCTCTC
CATACCTCATTC

>trans_s_12837NM_125590|Arabidopsis thaliana signal recognition particle-related / SRP-related
(AT5G61970) mRNA, complete cds

AATTGGCAAATCAAACTTCCAAATTAGCAATCAGTGGGATTACATACGGAATAATCCAAGCATTCGCAGCAGC
CGTCGTTACTTCCCACAGATCGTCACGCCAATCAAGAAGATACGTCCGTAGGCTTCTGATTGCGAAGTAGAG
CCCAATGGCGTCCATGGAAGTCGACAGCGCTAACTCCAATACTTCTGACCCTGATAATCCTAGATTTTCCGTTA
ATGTATTGCAGCTCTTGAAATCTGCCCAAATGCAGCATGGGTTACGTCATGGAGATTATACTCGCTATCGGAG
GTATTGCACAGCTCGGCTAAGAAGGTTGTATAAATCTTTGAAGTTCACTCATGGCCGTGGAAAGTACGCCAAA
CGAGCTATAACTCAGTCAACTGTTAGTGAAGTCAGGTATCTCCATGTGGTCTTTATACGGCGGAGAGAGCAT
GGAGTCATGCCAT

>trans_s_12838Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

AAATGTCATGAAGCGCGTGAGCTGCTTTCTCGAAATGTAGCGGCATTGCCCTTCTTCACTCACGCGATATTGCT
GGATCGGGCTTTCGCCCATTTGTCCAAGATTCCCCAAGTAGTAGAGAAGTAGGAGTCTGGGCCGTGTCTCAGTC
CCAGTGTGGCTGATCATCTCTCGGACCAGCTACTGATCATTGGCTTGGTCAGCCTTTACCTGACCAACGACCT
AATACTACGCAGGCTCATCAACAGCGCTTTTTAGCTTTCTTCAGGATTTGGCCCGTTGACAAGCGCAGATTCC
CACGCGTTACGCACCCGTTGCCACTTTGTTCTCAACTCTTCCCACCTTGAAAGGCGAGACAAAGCACCAGATG
AGAAAGACTTCTGCCTAGCTCCCCGAAAACAACGTTGCACTTGCATGTGTTAAGCATATAGCTAGCGTTCCTTC
TGAGCCA

>trans_s_12839GQ998319|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 photosystem I P700
apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

AACTGGGAAACCGAGCGTTTCCTGGTTTAAAAATGCCGAATCTCGTCTCAATCATCATTTGTCAGGACTATTGCG
GAGTAAGTTCTTGGCTTGAGTGAGACATTTAGTCCATGAGCGGATTCCTGCATCTAGGGGAGAATCTGTTTCG
ATGGAATAATTTCTTAGATGTATTGCCACATCCCCAAGGATTAGGACCACTTTTACAGGTCAGTGGAATCTTT
ATGCTCAAAACCCCGATTGGAATAATCATTTAAAACCATGAAAATCCTTCTAAGGAAAGGCCATTCTAACCCCTT
CTCGGTGGATTCCATCCGCAAACGCAAAGTTTATGGCTGACTGATATGGCTCATCATCTTAGCTATTGCATT
TATTTTCTTGTGCTGGTCATATGTATAGAACTAACTCGGGATTGGACACAGTGTGACCAATCTGGGCTGGA
CCAGCCA

>trans_s_12840AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TTGCTACCTATGATCTATAGACATATATAGCACCCGTGCAGTGCTGTAGCTAACGCGTTAAGTATCCCGCCTGG
GGAGTACGTTTCGCAAGAATGAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTTT
AATTCGATGCAAAAAGCGAAGAACCTTACCAGGGCTTGACATGCCGCGAATCCTCTTGAAAGAGAGGGGGTGCC
TTCGGGAACGCTAGGAATTGAATCATTATGGCAAGGAAAAGTTTAATTCAGAGGGAGAAGAAGAGGCCAAAA
ATTGGAACAAAAATATCATTTGATTGTCGATCCTTAAAACAAGAAATAAGCAAAGTTCCATCGTTGAGTGAG
AAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCTACCGCGTAATAGTGCACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTT
TTTAACCGGAAGACC

>trans_s_12841XM_002317522|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS55),
mRNA

GGAGTCTGCTCAAGTATTATTCGGACCATTACACGCTGGTCGAAAAGGATGGAGCTATGCTGCTGGGATGGA
AAACAGGAACCTGATATCTGCCTCGGCTTGGTATTAAGTGCATGAGATTGGAGCAAAACGAAGACCGAGCT
TGTGAGAATGGGTTATCGGTGGCTCCTTGACAGGCTCGCTCGGATGTGAAGCTGCTGATATCAACCATTGGGC
TGACCAGGACATTCAAGTTAATACTGTGCACAAGACAATTGATGTCTAATTTGTGTTTATGTGCAAGAAGTGTA
ATTTTATTAAGGTCTTTTACAGCTTTTGGACATAAGAATCCATTGTTCAATAGTGAATTTTAGTTTACATATAT
ATTTTTTTGTGTACTTCCAACAAAAAATTGTTGAAGAAATAGTTTTATTTGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_12842AC147426|Oryza sativa chromosome 3 B1377B10 genomic sequence, complete
sequence

TCAACAATGGAAGCTTATGCAGCAAACAAAATGGTGAATGAAGAGGGCTCAATGGTTCCTGTCAGCTAAGTC
TAAGACACAGATTTTTCAAAGAGCGCAAGCTTATGATGAGTCTGCTGATCAAGCAGGGAGAGTAGTGAGTTT
GGCGAGTGGAGGCTCGGGCCGAAATAAGTAAGGGAAAAAAAAAATTTGTATCTTCTTGATTATTGTATTGT
ATCATCAGACAAAGGTGAGTAGATAATGTAATAGAGAATGATAGAGCCATATATATGGATAAAAAAATGCAG
CCATATTTTAGGCTTGTGTGTTTCTTCTTATTAAGACTTTTATGAGTTGGTGCAACACAACAGGCACTGTTAT
CTTCTTTCTATTATTGGTTTGAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAACTAATGAAAAATTAAGAGATTGGAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_12843EF207443|Cercidiphyllum japonicum inverted repeat B, partial sequence;
chloroplast

GTCGGGGTTTGTGACGATAAGTTCATTCCATACCGGGCCAGACCGGAATAGGGATAGGTTATATACATTCT
AATTATGAGAAGGGGTCATCCGAGCGTATTTAAATAGATACTATGTTTACATATGGATCCCTACGTCCTTACAT
TCCATTTAGGATTAGGAATAGGTGTAATCGGACCTGTTTTTACATATCTCTCGTTATTTGGGACCCTATTCATC
TCTTTGGGCTTCTATTGAATCGAAAAATAGGTTTGATTGTCCATCTTTTTGATATAATAGTAAGGCATCCTCCGG
ATAATTCAAATCGAAGCAATTGGATGTCCGACTCGGACCTATATGACATGACCGAGCAATAGAAATACTCTAA
CACTCCACCTTTGTCATATATTCCATACATCACACTAGATAGATATCATATTCATGGAATAGTCACGTACATCCG
GG

>trans_s_12844GQ997731|Phoradendron serotinum voucher FLAS:M.J. Moore 332 photosystem I
P700 apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

AAAAAGGGAATTCTTTATTTAATTACGAATAATTAAGAATCTCCATTTTCAATTTCTTCATAGAATGGATTCA
CGAGTTTAACACTTCTTCGGAAGATTCATTAAATTGTGAAACGTTACCCTGCCATAATGTGATGTGCTTCCAGT
GCCAATAAAAAAGTAACCCATCCAATGGTATTTAACATCCAGAAAACCTGCCAAATAAAAGGCGTCCCAAGCCGA
AATATCACAAGTACCACCTCGTCCCGGACCGTCGCAAGGAAAACCTATAACCAAAATCCTTTTTATCCGGCATT
ATTTGGAACCACGTGCATCTAAAGCACCTTTACTAAGATCAATGTAGTTGTATGTAAACCTAAAGCAATAGCA
TGATGAACCAAGAAGTCTCCGGGCCCTATTGTTAAGAATAGTGAATTACTATTGCGTTAGCATCCGCAGGGAC
CATC

>trans_s_12845XM_003074402|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g03890) mRNA,
partial cds

GGCACACCTAGGATGATTGTTTTCTCAGCCTTCATGTCACCTGCAAAGTATGAATATCCTACTCAGGGAGAGA
GGACTTGAGTATCATGGCAAGAGTTTCTGCAGGTCAGTTTTGAGGCCGTCTGGCGGCCGGTATCATGTTCAAC
ATATTCTCAGAGAAAGGTCTCAAATGTCGTTAGTGTGGCATTGGGGGTATTACCAGAAATTTGTATTCCATA
GGCAAGTATAGTTTCATGCTCAAATTATGTTGTGGTTTATATGGTTTCACCATAAATAGTGCAGATAATTC

GAATTTGCAGATTCATTGAGCTTTTGTAGAGTTTTTCCCCTTCTTTATGTCCCTCTTTCTTTCCCCTGGAAAGAA
GCTGCGGATTAACAGCTGAAGTAATCATGTATATATGTTATAGCTTTATGATCTCGTCAAGCAATGTATATTGG
TT

>trans_s_12846XM_002329156|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb5
(Lhcb5), mRNA

ACGACCCAGACCAGGCAGCAATCTTGAAGGTGAAAGAGATCAAGAATGGAAGATTGGCAATGTTTGCAATGC
TAGGGTTTTACTTCCAAGCATATGTGACAGGAGAAGGGCCAGTGGAGAATTTGGCAAAGCATTGAGTGATC
CTTTTGAAACAATTTGCTCACAGTCATTTAGGGAATGCTGAAAGAGTTCCAACCTTTAAATCAATGAATGA
ATCAATCAATCAATGCATTCATTTAAAAAGCCACATCCCAATCACAAGTTTGTGTATTGAAGGATGAAAAATC
TTGAATGCTTTTGTAAATTGGTATTGAGACTATTTGTAGCCCCTGACTACTCAACTCTTGCAATTTGAAAGAGATA
TGAACAAGGAGTTAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAA

>trans_s_12847AY106144|Zea mays PCO081507 mRNA sequence

CTAGGGGATGATTGGGAGCACGAAGAGATTTTTACTGATGTATGATGAACTACTGCTCCAGATCGTGAAGA
AAGGGAGGATTTAGCCCCTGAAGTTCCTGCACCTCCAGAAATCAAACAGGATGAAGAAGATGAGGATGAAGA
AAATGAAGGGGAAGGGGGGCTGAGCAAATCTGGGAAAGAGTTGAAGAAATTGCTTAGGCGTACTGGGGGT
CTTAATGATTGAGATGGAGAGGATGACGAGGATGACGACGATGTGGACGAGGATACTGGTGGCACTCCTGTG
TTACCTTCGAAGCAGAAGGATACAGTTAAAGAAGAAGCTGCAGCCAACAGTCCCTCAAAACCAACACCTTCTG
GATCTGCTAAGGGAACCCCTTCTACTGCGAAAACGGCAAAGGGGAAAAGGAAAAATGGTGAGGATGTGAAA
CCATCCAGTGCACCTCC

>trans_s_12848AY139775|Arabidopsis thaliana AT3g14100/MAG2_5 mRNA, complete cds

ACCTATGGGAATGGGTGCAGCTGCAGCTAGCCAGGCTTTATACGATGGTGGCTTCCAGAACATTGCAGCACA
GCAACTTATGTACTACCAGTAGTAAATATGGCTTAGCTTTTGCTTTTGCTTGATGAAATCTATTTATATCTTACTT
TTTCTGAGATTATGAGCCTTCAATGCACCTCTATATCTGAGTTTTTCTTTTTTTGGTGTTCAGATTCTTTTGC
ACCTACAAATGGAAATTATGTTTGTACATTTGCTTTTTCTTTTTTTAGTGTTATTATTAGGGCCAGGGTCGGTG
GCTATGGGCAATTGAGGAAGCTTGTTGATCAATCAGAATGTACTTTGTTACTTTGTTTTCTTTCTGAAAGACAA
TCTTGTCGTTACATACAATATAATATAGAACATATTCAACTGATTTAACCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12849GQ997694|Nerium oleander voucher FLAS:W.S. Judd 8076 ribosomal protein S12
(rps12) gene, complete cds; chloroplast

TCGCCCCTATACCCAAGTCAGACGAACGATTTGCACGTCAGTATCGCTACGGGCCTCCACACCGTGTGCGGAG
ACAACCGGGTAAATCCTTAACCCTTCCCCCTTACTAAGACTACAGAATGTTCTTGTAATTTATGGCCAATACC
AGGTATATAAGCAGTGATTTCAAATCCCGAGGTTAAGCGTACTCTGGCAACTTACGTAAGGCAGAGTTTGGT
TTTTTGGGGGTGATAGTATACACCCTAGTACATGTTCCCTGACGCTGAGGGCATCCCCGAAGGGCGGGCGATT
TGGTGACATTTCTGATTGGCTGTCTTGTTTCTAATAAGTTGTTTAATAGTTGGCATGTTGAATTGTATACATA
ATGAGTTGGTTTAGATCAATCCTAACCGGATGATTAAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTACCT
AC

>trans_s_12850AF280939|Arabidopsis thaliana DND1 (DND1) gene, complete cds

>trans_s_12851NM_001067179|Oryza sativa Japonica Group Os07g0680300 (Os07g0680300)
mRNA, complete cds

>trans_s_12852NM_127306|Arabidopsis thaliana IRE1A; endoribonuclease/ kinase (IRE1A) mRNA, complete cds

>trans_s_12853AF245665|Mesembryanthemum crystallinum plastid ribosomal protein S10 precursor (PrpS10) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

>trans s 12854L01660|Medicago sativa NADH-glutamate synthase mRNA, complete cds

TTGCAGCGGGGAGACTGCCGTGAGGGCCAGTCCCTTGTTGGTTTTGGGCTATCTCGGAAGGACGGCGAGCAGCTG
CTCAGGTGGACAAGTATTTAGCTAAGGAGGAAAAGGGCGGTATTGTAGGGGAAGGAGGGTATGAAGGCGTT
GGTAACGGCTCTCAAGATTATAACAATAGACAACAAGATAGTAGTAGTAGCAGCAGACACACAGTAATGACA
TAGGCGATAAAAGCTTTTGTCCAAGCTTTCCTAAGAATGGAGAAAAGGAAAAATTCTATACTTTTGGCTGAA
GATTTGATAACTTGTTCTACTCAATAAAAAAGCCAATTCAGAGGGAGCACCCCCAAGCAAGGTGGTGCAGCAT
GTGAGGAATGGGTTTTCTGCTGTTGGCTCTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATTATT

>trans_s_12855AB070892|*Pisum sativum* sdh4 gene for succinate dehydrogenase subunit 4, complete cds

AGGCTTCCTATCCTATCTCGGACTGATTTATGGAACATAGACCAAATAAATAGTAGGTAACTCCCAACTGA
CGGTTATTACATAGCGAGACCTGTCTCATTGATAAGGGCTAAGTCAAAGATGGAAGTAGGAGAGGCGCGAAG
CGACCTTTGATCCACTAAGTCAAAGATGGAAGTAGAAGACGAGACTGAATCAATGAACAAAGAGGGGAGAA
GAGAGAAGCGACTATTCATGATCGATGTTATTGGCTCTTCCGAAGAGGAAGGGTTCGAAGAGATTATGGCAG
ATTATGTTACCAAGAAATGACCCGAAATTGGATCTTGGTCTATTTGAGATTGTTCTTTTCATCTCCATCAAAG
ATCTTTTCTTGGCTCTCAGGGGGGGGAATCCGCCCATCCTCCAAGCCGTTGAGACCTTCTGCTTGAACATA

>trans_s_12856GQ998726|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

TGTGTACCCAGTCCGCATGCTAGTTTAACACACCTTCGCCCCAATTTTAATTTGCCGGCTACTTGTTTCATGGC
TTTAATTTGAGCTGCAGATCCTACTCTGGAGACGGAAATACCCACATTAATAGCAGGTCTGATTCAGCATTGA
ATAGATCGGCAGATAAGAATATTTGTCCATCGGTAATGGAAATTACATTAGTAGGAATATAAGCTGAAACATC
TCCCCATTGGGTCTCATCTTTGTCCGCTCTACACCTCTCAAGTCATTTACAAAGTCGGACTAGAGTCAAGCTCA
ACAGGGTCTTCTTTCCCGCTGATTCTGCCAAGATTAGAGATGTCAACATGGTATTTAAGTCTGTATACGAACA
GTTATTTTTATTTTGGTGATTGTCATTGCGAGACTATTAATCTGCCTCCTGGTGAATACGCGG

>trans_s_12857XM_002887716|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* vacuolar H⁺-pyrophosphatase 2 (AVP2), mRNA

AACTAACAACAACAACAACAACCCGATGCCCATTTGCGATTGCATTAGTTCAAGGTGCGCATCATCACTCC
CTCAGCATTTTGCCCAACTCCATCATTTTGGAGGAGGCTCGGTTGGTTTGAATTACCACCCTTAATCCTATTTGC
TGGATACCAAGGTGAATGGAAGTAGCTTTTAAGTAGATTGCAAGGTTCTGCAGTCCACGAACGAGGAATTCTT
CGTTGTTCTCTTGAATCGGTGCTTTTGATATTCTTATCTGTGGCTGGTTAGTCCGAAATTTCCAAATTCAGCG
ACCAGGGTCAGGGGGCGATTTGCCCCAGGGTGCGGAGTACAACCCTTATCCTGTTGCAAGGAGGGTAAATTC
CTCCCATACCGTACTCATGGACGATGACATTGAAAGTGCTAGTTTGGGGGGGTACCCAGACAGGC

>trans_s_12858DQ673258|*Jasminum abyssinicum* psaA-psbB fragment, chloroplast

CTAACAAGTAGGAGGGTTTTCAATGCGAGATCTAAAAACATATCTCTCCGTGGCACCGGTAGTAAGTACTATA
TGGTTTCGGGGCTTTAGCGGGTCTATTAATCGAGATCAATCGTTTATTTCCCGGATGCGTTGGTATTCCCGTTTTT
TTCATTCTAGTTATTGACTTGGGAAGGGGTGAAGAAGATTAGAAAAACAATCAAATATCTTTGACTAATCCCTT
TCCCCCTTCTTTTTTTTAGAGTTTTTAGAGAATCCCGCCACCGAAAAGAATCAAAATGGATTCAACCTCAGTCAA
ACTCGGACGCGGCCAGGTTCAAAAAATTTAAAAAAGAGTGAGAACGAAAATGAAAATGTGATGGCTAG
GGCAACAATATCATACAAAATACTTAAATGAAAAACTGTACTGCGTGTCTAAATTTACTTTGGACC

>trans_s_12859M37231|*Rye* 26S rRNA 3' end and 18S rRNA, 5' end

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGACGACGGACGTCGCGCAACCTAAA
ATCCCGATAAACTCGCCGGCTAGAGCTGGCCGTTTATTTCCCGGATGCGTTGGTATTTCCCGTTTTTTTTCATTCTAG
TTATTGACTTGAGAAGAAACAGAGAAGATTAGAAAAACAATCAAATATCTTTGACTAATCCCTTCCCCCTTCT
TTTTTTTAGAGTTTTTAGACTTAGAATAAGTTAGAAAGAATCAAAATGGATTCAACCTCAGTCAAACCTCGGACG
CGGCGCCAGGTTCAAAAAATTTTAAAAAAGAGTGAGAACGAAAATGAAAATGTGATGGCTAGGGCAACAA
GGGGAGGAGAGAGGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTATTA

>trans_s_12860GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

CATCCCCTCGCAAGGCGGAATCTCGCCGTCTCGAACCGTTCCTTTGGGTTCTCTGCTCTCAGGTCACCGATCT
CTCTACCCGATCTTTCACCTCAAGATCGACCTTTTGTCTTCTAAGGGTTTGTGAGATCCGATCGTCTAGGCA
AAGATGTTTGAAGGCCAAAGAAGAGCGATAATACCAAATATTACGAGATAGAACCTCAGAGTTTCTTACGC
AGCGTTCTGCTAGATTAGAAGGCCTATAGAAAGGCCGCTATCAAGAACCATCCTGATAAAGGTGGCGACCCC
GAAAAATTCAAGGAGTTAGCACAAGCCTACGAGGTGCTGAGTGATCCAGAGAAACGTGAGATATATGACCAA
TATGGCGAGGATGCCCTCAAGGAAGGCAGACGACTTAACGCACGCTGTCCCATATACGATGTCAGTGG

>trans_s_12861GQ377426|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription factor 6 mRNA, complete cds

ATTGGAGCGGCTACGACGGCGGACTACAGAGGGTTCAGTCGTCGGAGCAATCGGCGGTGACAGAGATAATT
TCGGCGACAACCTTCAGTGACAAATTCGCCGATTTGTATTGGGGAGTGGGATTTCTCGCTTGACAATATTGATT
TGACCAGAATTTCCCTTTGACTCTCTAGATTTTCATCTCTGATTTTTTTCTGGTTATATTATCATTAACTTTT
TCCACGTAGGATTTGAGATGTTTTGTTCTTTAGATATTCTTCATTGTGTAAGAATTATTTTGAGAAGTGTCT
GTGGGGATTAATCTGTGTAGTTTAAAGTTTTATTGTCATTAATGATCATCTAGTATTGTAGTTATTGAATTTTT
TTCTTGTCTAAAGAAATGTAATGATCTTTAAGCTAATGAATAATATTTTTCTAGTGATAA

>trans_s_12862DQ086363|Symplocos verrucisurcula voucher Clark & Mendoza 8119 tRNA-Cys (trnC) gene, partial sequence; PetN (petN) and PsbM (psbM) genes, complete cds; and tRNA-Asp (trnD) gene, partial sequence; chloroplast

ATAAATAGAAAGATATATATTGTATATTCATCTATATTCAAATTGATCGATATTCAACCTCTATTTTTATAGAGT
ACAATTTTATATTTATACACTTCAATAACAATAATAGATAGTATGGTAGAAGGATTCATATATTTCTTTTACCA
TACTATCGGATCTTATCGAATACTTCTCTCGTAGAATACTGATAATTCTAGTCCGCCAATTTCAATTAAGACGCG
AAATTTTAATGCTTTTCATTTTCTTATCTTCAATCATTGATAAGAACTAAAACGTCAAGGTTAATTCAAATTAAT
CACTTTGACTGATTGTTTTTACGTATATTATAAGTAAAAAGGCGGTCCGAACTAGAATGAACAGTGCAGTAGC
AATAAATGCGAGAATATTTACTTCCATAATATCATCGTTTCAGTTCCCAGTCCGTCCCC

>trans_s_12863AY105517|Zea mays PCO134389 mRNA sequence

AAAGCTCGAGAGGTTTTCAACGTCAGAGAGAAAAATGGCAGGATGGAGATGGCTGGAAGCGGCACTTCCTCT
CGGAATTATCGCCGGAATGCTTTGTGTAATGGGTAATGCTCAATATTACATTCACAAAGCCGCCCATGGCCGG
CCCAAGCACATCGGTAATGATATGTGGGACGTTGCCATGGAACGCCGGGACAAGAACTCGTCGAGAATTTA
TCCGCCACTTCTCATAGTTGATTTTATTTTCGACCTGCATCCCGGAGAAGGTACAGGAGCTGTGGATGCACTCT
TGATGAAGGAATAAAAGCTCTTGTTGCAGAATGCAGATATCTATGCAATGATGATCACTGCCATGTATTGTCA
ATTTTCTTCGTTGTTTCTATGTTGATCTGAACATATGCAAGATTCATCTTCGAGAATTACTTCTTTAT

>trans_s_12864BT011498|Arabidopsis thaliana At5g04080 mRNA, complete cds

GGAGATTGGAGAGAATTAATCATTCCTTTGAAACAGAATACGAAGTAGTGAACTCAGGACCACTGATCTGTT
GTTTCGTCCGATGGCACATGAAGACGCAAGAAAAACAAGTGCTGCCATGTACCTGATGCTCCAGACCAACCTC
AGCCTCTGCCATCAGGAACAAAGAGTTTTCGATGCCACGTACACAAAAGAAAGGGAACAAAGCTTCCTTGA
AGGATGCATCTTTGCTTTGTGCTGTTGTTGGATTTGTGATGCTTGCTTTGATGTTAGTGTAACATGATAAA
CATCAGCAACTGCAGGATTTACACCAGATGCGTAACCAACAGCCAATATATAGAATTTTACTATGAAGGCA
TGACTGAATTATGTATCCATGTGATCCTATCACAATCTGAATAATTGCTAAATACCTTTTCTCTTA

>trans_s_12865AF017155|Cucumis anguria 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATCAATAATATCAAAATCCGACGAATCGATCCAGTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAA
TTTCGCTTTAGCCAATGATCCAAGCAGAGTAATAATAGGAACTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTA
TTAGAAATGAATTTTCTAACTAGACTCAGGTATGGTGACTTCATAAATTAGCTTGTACGGACTGTCAACAGTA
CCCTACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTACAAGGC
GGCCCCCGCGACTCATCCGTCACGAGGGCTTAGCCAACGACACGTGCCTTTTGGGGCATCCCTTAAACTACTG
CTGGTCGGCAATCGAGCGATAAGCACATGCGTCGCTTCTAGCCCGGATTCTGACTTAGAGGCG

>trans_s_12866Novel Gene

TTGGAGCACATAGAGCTAACGGACTATGGTTGCATCAATTGAAATTGTTTCGGTTTCAAAGGAGCTTCGAGTAA
AACAGAAAACAGAGAATAGGGCAAATATCATAAATCGACTACGAAGCTCACATCGAAAAAGCAACAAACAAT
ACGAAACAAGTATGTTGTCTTTCATCTCTATGTCTGCTTTCAAATCTCAATTGTAATGGTTGGAACGTGCTATAA
TATAGTATTGTTGGATTGGATTGGATTGGATTAGGCAAATGCAGGGTCTGTATATGATGTTATAGTGTGTTT
GGTGATATGATGGTACATAATATTCACTTCTCTACTGCTGAGTTCAATGTCACTCAATAGTTTAAACAGTGAATC
AATGTATACAATTCCCATCATTTTTTTCTTTCAATTTACATTATTCAACCTCTGTTGGCTTC

>trans_s_12867AB191232|Cucumis melo MRGA-3 gene for NBS-LRR type resistance protein, partial cds

AAGCCGAAGGCCCGCAGAACGGCAAGTGCAAGCAGTTCGTGACATCTTGTTTCGCAGTCCACACAAAAAGAG
ATTGAATTACAAGCTAACTTCATGAAGCTTTGGAACGGATTGAAGTACAAGATAGAAATCACCAAGCATTAG
CTTCACAAGTGGAAGCTACGAAAAAGATGATTGAAGACCTAACTCGTGCAACAGGGACCACCACATGACC
CCTAGCTCTGCGAACCGAAGGTGTAGAATGACGCGCATACGCACCTCGTTGGGAGACTTTTCATTATGTTTAT
GTTTTTCTATATTGAGAACTATATTTTGTGTAGTCAACTATTCTGATTATTAATTTTAATTCTATTTTTTAATT
TTTGTGTTGTATATTATTGATTATTTTAATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12868AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TGGGCTGATATTATATTGGCACGATTAGAACACGCACTTACATATGTACGTTACAATGTTAACGACGGACGTC
GCGCAACCTAAAATCCCATAAACTCGCCGGCCGAGATCAATCGTTTATTCCCGGATGCGTTGGTATTCCCGTT
TTTTTCATTCTAGTTATTGACTTGAGAAGGGGTGAAGAAGATTAGAAAAACAATCAAATATCTTTGACTAATCC
CCTTCCCCCTTCTTTTTTTTAGAGTTTTTAGACTTAGAATAAGTTAGAAAGAATCAAATGGATTCAACCTCAGT
CAAACCTCGGACGCGGCCAGGTTCAAAAAATTTAATAAAAGAGTGAGAACGAAAATGAAAATGTGATGGC
TAGGGCAACAATATCATACAAAATACTTAAATGAAAACTGTACTGCGAACTTAACGGCGTC

>trans_s_12869AY274822|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, complete cds

GTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCATTAAACATAAATTTCAATCCGTTCTTTG
AATTCGTTTCCAGATCTGCATGGTGAAGAACAGTTTCGGTGTTTAAGGCTTTGATTGGTGTGTTTTTTAATTC
ATTTTTGTTTCTTTGTTCTTGGGAAATCTTCTTCTGACCGGATCGCGGTGGGATATTGCAAGTGTATAGGTG
ATCGTGGTAAATTTGGCGGTGGAAATAGCTACTCTTCTGCTTCTTTGGGGGGGTAGCCGGGGCCTCGGCCT
CGGCGGGTTTTAAAGCCCCCACTTGACAAAACTCTGAACTTCCATTACTTTTTCTTAACAACTTCTCTAACTA
CGACTCTTCTTCTTTAATTTTTCCATTTCTTCTTTTCATTCTTCTGATCCG

>trans_s_12870XM_002316184|Populus trichocarpa high mobility group family (HMGB910), mRNA

CGAGTGCTTTCTTTGTTTTCTTGAGGAGTTCAGAAAGGAGTACAAAAGGGAAAATCCTAATGTGAAGGCAGT
ATCTGCAGTCGAAAAGCTGGAGGAGAGAAGTGGAAATCCTTAAGTCACGCTGAAAAAGCACCATATGAAGC
CAAGGCAGCTAAGAGGAAGGCTGAATATGAAAAGCTTATGAGGGCATATGACAGCAAGAAGGCCAGCGCAG
CAGATGACGAAGAATCAGAGAGGTCAAAATCTGAAGTGAATGACGAGGATGAGGCCAGTGAGGAGGAGCA
TCAAGAAGAGGATGATGAGGAGGACGAGGAAGATGATGAAGATGATGACTAAATTGAAAGCCAATTGTTT
GTATCGGCCAACCCAGCTGGTAGAGGGAGGAAGGTGACGTATGTTTCATATATCTTTGCATGCTTTCTGTTCA

>trans_s_12871XM_002881689|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat repeat-containing protein,
mRNA

ATTGTCATCCCAAATGGTCGATGAACAGGTCTATCCCCATATTGCCACCGGGTTCTCTGACACATCTGCTTTTCT
TCGTGAATTGACTCTAAAATCCATGCTTGTTCTAGCTCCCAAGCTTTCTCAACGCACTATTTCTGGGTCATTATT
GAAGCATCTTTCGAAGTTACAGGTTGACGAAGAACCAGCAATCCGAACGAATACGACTATATTACTTGGGAAC
ATTGCAAGTTACTTAAATGAAGGGACAAGGAAGAGAGTTTTTAATTAATGCCTTCACTGTCCGTGCACTGCGTG
ATACATTTTCCCAGCCCGTGGTGCAGGCATAATGGCATTATGTGCTACAAGTGGATATTATGACAGTACAGA
AATTGCAACTAGGATTCTCCCTAATGGTGTGTGCTTACCATAAATCCTGACAGTGATG

>trans_s_12872XM_002304213|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription
factor (ERF39), mRNA

AGAGACAGGGAACCGAGGACGGTGGAAACTCAGTCGACCTTTGGACCTTTGACGATCTTGCAGGAATGGTTGG
CAGGGTCTTCTAAGCAAATCTTTCCAGCTTGCTAGGTTATGTAAATAAAAGCTACATATTAGAACATTTGTGA
TCTGTTATGGGAATGGACGTGAGAGAGATCTGCCTGCATAAGCAAAAATGGCCTAACAAACATAGCTATTGG
TGTGTATGTTGAATGTGAGGACACTCTTAGTAGTACTTACTTGGTAGGCTTCATTTTCATGTTTCTGAGTCCATA
ATATGGAGAACTCAAACTAATATATATGCTTGTACTGATAAAACTACTTGTGGTTTGTGTTGTGCTGTGTATG
TTGAAAACCTAATGAATCTCATTTCTTAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12873NM_122913|Arabidopsis thaliana EGY1 (ETHYLENE-DEPENDENT GRAVITROPISM-
DEFICIENT AND YELLOW-GREEN 1); metalloendopeptidase (EGY1) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCCAACAAATATGTATATGTATTGAGTAGAAGAAAATGGAAAGAT
GACTATATGCATGCCAAATATTGGTAAGATTGGCAGTAAATACACTAATCTACCTCATTTCTACTAAATTTTG
AATTTAACCTTTGAATTTGGTGTCAAAAAGTTGTTACAAGACCTATTCCAAGCTCTTCTGCAAGCTCGTCCCAA
CTGGAAGGAGCGTTAACACAAAAAGAAACACGGCCAATGTGACGGCGGTTTTTCTCCATGTTCCAATTCTGT
AACGTCATTCAACATGGCTTTCCAGGACTCCTCTGGCATATCAGAACATATAATCCCAGGGAAGCGATAAC
GGTCCACCAAGCACACCTAACCCGAGCAGTGTGTAAGTCGCCAAACCAACCCGACT

>trans_s_12874AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete
sequence

CCTGCGTTATCTTTAACAGATGTGCCGCCCCAGCCAACTCCCCACCTGACAATGTCTTCCGCCCCGGATCGGC
CCACCGAAGTAAATTCCTGTAACCCCTCTTTTACTGTAAAATATTCCGTTTCACGGAATAAGTAAATAACG
TTAAAAGTAGTGGTATTTCACTTTGCCCCTTTGTTGATTGAGAATCGTATCCGTGGGATGACGTCAAAATGGCC
AGACGGACAGGGGTATTAATTATCTCGCTGACCACGTCCGATAGGAATCATTGAATCAATAGCAATAAGTCC
TGTTTGAAGAGGCTCGTATACGGAACGTCTCGAAATAATACCAGGAGCGGGGGATTCAATTAACCGAGAGTC
AGAAGATGAAAGCCTTTTTCGGCCATCAATAAAG

>trans_s_12875AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

TGGCAGAACGTGAGGAGACACTCCTACCGAACGACAGTATGCTCCTGCGAACAGGGGCATTTCAAACAAATG
GTCTATGTTTTCGAACACTTGGACACTCTTGCTGTTTACTATCAGCTTCTCGTACTCCACAACTCCCAGATCCT
GAGCTTTGAATAGTTGATAACATAGTAAGCCATGGCAAACCTGGGTCTGGTTTTCCGGAGGGTAAACAGGTTT
GATCTCACTGACGACACAACCCTGATACTCGAGGATTTGGCGATGATCTTCAGGAACATCAGGAAGGACAGC
GACAATGAGAGGGTAGGCGGCTTTGACCTTTCTGAGACCCTTTGCCAATCCAACCTACACCTTTCCAGTAGTCAC
CATTACCAGCTAAGAACGTCACGTACGCCCTCTTG

>trans_s_12876GQ998452|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 NADH-
plastoquinone oxidoreductase subunit 4L protein (ndhE) gene, complete cds; chloroplast

ACTCACGACCGCTGGACCCATCAGTTTCCCATTTACGCGTTACCAAATCCCATGATCGGAGAAGTTTTTACCC
GCGGCATACCGCCTTCGAATCACGGGAGTGCCCCGCGGCCCTTGAAAATCCGGAGGACCGAGTGCCTCTC
ACGCCCCGGTCGTAATCATAACCGCATCAGGTCTCCTGTCCAGAGAATTCACGAATGCAGTTAATATGAATTC
GTAACATTTTCTGATTTTTTTGATAGTCGCCATATAAAAGGGAATATTTTCTCAATTTTTGTTATAGCTATTGCA
GCCGCTGAAGCAGCTATTGGCCTAGCTATTCTTTCGTCATTTATCGTAACAGAAAATCCACTCGTATCAATCA
ATCGAATTTGTTGAGCGGACCCGCTTTAAG

>trans_s_12877AY865171|Lactuca sativa chloroplast inversion region

CGTTTCACGGAATAAGTTTTAATCAAATCTGGCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCACTCGAACTGA
TCGGCTTCATTTCAACTTTTCGTAAGGCTCGGGCCCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTAGTTCT
TCTGAATTTTGAATTGTTTTCAAGATCCTCTGTTTTCGATTATCTAATAAATCACTTAACACTCCCTTTCCAAAA
AAATCAATACACCAAGCACTACGCTTAGATTTATTAGATTTGTTGCTAAAATATCGGTATTAAATCCGAACTC
TCGGCGGATGGCCAGTAACCCAAAGAAATGAAAGAATCGGTTACATTTTTCATATGATCTCTTTTATAGATAA
AACTAATTATCTATTTCTTGTTGCT

>trans_s_12878AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

CCCCATTATGCCCTGGGCGACACACGTGCTACAATGGCCGGGACAAAGGGTCGTGATCCCGCGAGGGTGAGCT
AACTCCAAAAACCCGTCTCAGTTCGGATCACGAGCTGCAACTCGCCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAAT
CGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTCGTTCCCGGGCCTTGACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGG
CCATGCCCCGAAGTCGTTACCTTAACCGCAAGGAGGGGGATGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAG
TCGTAACAAGGTAGCCGTACTGGAAGTGTATTAGTTCGACAAGAAGGTTTCAGGGAGAGCTAATGCTTGTTGG
GTATTTTGGTTTGACACTGCTTCACACCCACCCCTTT

>trans_s_12879GQ997886|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 photosystem II protein
D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

TTCTTCATCGATGATAGAGCCGAGATATCACAAGGGTCTATTAGTCCGAAAGCACCGTGGAGAGCAACAAAA
GTCCACAGACCACAGCCGTGACACCAACGAGTAAAATCTCCTTGCTTCAGGGCCCCATAGTAACAACAAAG
AGTGGGCTAACTATTAGCAGGAGTCGAAACTGCGGCGGTTAAGAAGTTGCATCTTCCAAATAGGAACTTG
CCAATCCATGGGTATACCATGAAGTTACAAAGGTTGTACCTGTAAACCAACCTCCGACGGCAAAATAGGCACA
AGGAAAGAGCAATAGACCGGACCAACCTACAAAAACGAAACGGTCCCTCCGTAACCAGTCATCCATAATATC
GAATAAATCATTTTCGTCTTTGGGTTCTGACCTTGG

>trans_s_12880NM_001071896|Oryza sativa Japonica Group Os10g0558600 (Os10g0558600)
mRNA, complete cds

TGGGACACAGGGCATCAGAATGCCCTGACAAGTGATAAGCAAGACGACTAAGTATACTTGATCAGCTTCTAG
TTATTGTGGGGACTCAAAATGTTTGTAGGAAGTGCCTCGTTGATATGTATTGCAAATGTGGAATGATGGAAG
AGGCAGAAAAGATCCATTACCGGCTGGAAGAACAACAATGGTCTCATGGAATGCAATCATTTTCAGGATTTTC
ATTGCAAAAAGAAAAGTGAAGATTCACAAAGATTTTCTCTCATATGTTGGAAATGGGTGTAGAGCCTGACAAC
TTCACCTATGCAACTGTTCTAGACACTTGTGCTAACTTAGCTACGGTTGGTGTAGGAAATCAAATCCATGCACA
AATTATCAAGCTGGAAGCTGCTATCAGATGTGT

>trans_s_12881DQ359729|Nicotiana attenuata jasmonic acid-amino acid-conjugating enzyme
(JAR4) mRNA, complete cds

TTAGGAGCGGCTGTGAGTCAGTACAAAACCTCGTTGTGTTATCCCTACAAACACTGCTGTGTTGCAGATCCT
GTGCTCCAATGTTGTTAACTCCTATTTTCAGCACTGCCTATTAGTTTTTGGTTTTGTTTAATCTCTCCTTCCTTTTTT
TTTTTCTCCTTACATCACATGTCATCACACCTTTTCCCTTCCTCCCATGTGCTCTCTTCTCTACTCTATAATGT
ATATCTCAAATTCTAGTTATAAACTTTTCCCTTTTCTCTTTTTTCTTTTTTCTAAATTGGTTCGGTATAAACAACA
ATCACCTGTCAGCTGGGATATAATTTAATAGATAGAGATAAATGTCTTAATTGCTAAGCCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12882DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

AGGTGCAAACCCCATATTTGTTTTGAAAACCTCAAGAGTTGTTCAATGAATCCCTTGATTCCGAATTGCGGGAT
AGAGAGACAGATGATGAATTGATTTCTTACCTATGTCACAAGATTTTTGTTAGTATCATCTATAATCATAATAAT
AGATGAATCAAAAACCTTCACTTGAATATATTTTTTCAATTAGTATTTTTACTTATCCATCCGCGTATCTTTCAAA
AATAGAACTTAGGGAAGTGCTTTATAAACATATGGATAAAAATAACGTATTTCAATTAGCCTCGTCATGCTTA
CTATCACTAGTTATTTTCGGTTTTTCGCAAGGGAACGGGCTTGGCAGAATCAGCGGGGAAAGAAGACCCTGTTG
AGCTTGACTCTAGTCCGACTTTGTGA

>trans_s_12883AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

CCCCCTATGCCCTGGGCGACACACGTGCTACAATGGCCGGGACAAAGGGTCGTGATCCCGCGAGGGTGAGCT
AACTCCAAAAACCCGTCCTCAGTTCGGATCACGAGCTGCAACTCGCCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAAT
CGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTCGTTCCCGGGCCTGTACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGG
CCATGCCCCGAAGTCGTTACCTTAACCGCAAGGAGGGGGATGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAG
TCGTACACCTTGCTAATGCAGTTCCTGTGCGGCTGGATCACCTCCTTTTCAGGGAGAGCTAATGCTTGTTGGGT
ATTTTGGTTTGACACTGCTTCACACCCACAAAGT

>trans_s_12884AB490003|Citrus lanatus subsp. vulgaris CitAuR mRNA for auxin-repressed
protein, complete cds

CGGGGAACTTACCAGGTCCAGACATAGTAAGGAGAAGCGTCTTCAACCTGGTAGAACTTTGCTACCAAG
TGATACAACACTGAAGTCTTCGACAAGCCTCAACCAATTCTCCAAGTGTACGACTGGCTCTACAGCGGTGA
CACCAAGAGCGAGCACACACCTGTACAACATGGACGGCGGTTGAATGTAAATAGTGTCTGTAAGGGTTCGT
GTTTGGTGACGTTGACCGGTGGGTTTTGGATGTTTATGTGATATTACATGTTCTAACTAGGTTTTTTAGCATCC
GAGTTGTCCAAGCAAGTTTTTATATTGTAGTGTGAATTTGTGTGAGTCTGTAGTTATAATCCCAAATTCAGTG
CTGACACAGCCAATGATCGGATGACTACTT

>trans_s_12885M75719|Alnus incana chloroplast 23S rRNA, 4.5S rRNA, 5S rRNA, tRNA-Arg, and
tRNA-Asn genes

TTTGTTTTACGCCCCGTAATTCTTCCTCAGCCAGGCTCGGGCAGAATAGCAGAGCAAGTACAAGTATTAGTAG
AATAGCAAAAATGTGTTCCCTCGTCATTAATATGTTTGCTCGCGGTAATTGTGACCTCTCGGGAGAATCGATGAC
TGCATCAAAGATGCACTTGCTAGTACTAGTACATCTGAGAATTCTTAATTGTCTAGTTGTAAATAGACCCAGAC
TGTGGAACAAAGGATTATCCCGGACCTACACCGAGGTATTGACGGTGATTCTCAAATATCGCAGAACAGAATT
TGATACGATGAGATAGAATGCAATAGAAACAAAGACACAGGGAACGGGTACCTACTCTTAACGGTCAAAGC
GAACCCTTTCATTCCGTTGCAAACGCACTC

>trans_s_12886NM_001049452|Oryza sativa Japonica Group Os01g0328600 (Os01g0328600)
mRNA, complete cds

AAATTTGCAGCCAACCCCAAATCAAAAAATCCATTGGCGGTCTCTTGAAGGTCTTCCAAACAGAGGTGTTGTA
CGATTTTATCCAAAGGGGCCCTTCATCTTGCCTGGTAGAATTGACCGTCTCCTATGAAGTCCCTCCTCTTTTGTCT
CCGGTGGCTTCTGCACTGCAACCTTTGCTTGAGAGATTACTTCAACGAGGTCTCAAAAGTTTTGCTACGTTTGC
GAAGAAATACCAAACGGCTTGAAGATTGAAGATATTGTTATAATGGGTATCATACATTACGATTTTTTCAAAA
TACTCCGACTGAACAAATGTAAAATCTGAACACAATAATCTGTTTTACTAAAGAATCTCATTTACTTTACTAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12887Novel Gene

TGATTGAGCAGTTGACAGATGATCCAGGAGTTCGGTTCATGGGAACTTTTATCTTCGGATTTGAAAAGAA
TTAGCCCCAAAACGGGGGCGGTAACGTTTGAAGCATGATATGAAATGAGTTCCTAAAACAAGAAAAAATCC
TATTTTGAAAATAACTAAATACTAATAATAATAAATAAAGAAGTGGAAGCACGTAATATGTGGGTGGCTA
CCCCGAGGTACTATCTTATTATGAGGTAGTATATTATTATGCGTAGTATCTCATTGGACAACCACTATGTCTATG
TTCTTCGTGTTGAAAGTATGGATCCACTTAAAACTTATAATCCGAACCTTTTTTCCCCTTCCCCTCTTCGGCC
TTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGC

>trans_s_12888GQ997886|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 photosystem II protein
D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

ATTACAGGTACACGTTTGGCTGATCGAAACGAGAGAGGCGATATTATGGATGACTGGTTACGGAGGGACCGT
TTCGTTTTTGTAGGTTGGTCCGGTCTATTGCTCTTTCCTTGTGCCTATTTTGCCGTCTGGAGGTTGGTTTACAGGT
ACAACCTTTGTAACCTCATGGTATACCCATGGATTGGCAAGTTCCTATTTGGAAGGATGCAACTTCTTAACCGC
CGCAGTTTCGACTCCTGCTAATAGTTTAGCCCACTCTTTGTTGTTACTATGGGGCCCTGAAGCACAAGGAGATT
TACTCGTTGGTGTACGGCTTGTGAGTGTTGAGGGGTGGTAGAGAACATTGTAGGGATTACAGCCGCTTGG
GACGTGGCATGATGCCACCAAGTGCTC

>trans_s_12889NM_001066295|Oryza sativa Japonica Group Os07g0511100 (Os07g0511100)
mRNA, complete cds

TTAACTGACAAGTCCAAGATCTATTAACCATAGGGGTAAAAAGAGTTTGAAATATTNTTTGTCAACCATTG
AGCTAGAGTTTACATAGTTTACTGGAAAGTACTAAACTGATCCAAATCTTTGAAACAAATCTTCAATAGATC
AAAAACTACAGATTTAAACGGAGCTTAAATGAAGAGGGTCGAAACGTCATTTGCATCAGCTCCTTAAACTT
CAGAGAATCACCTGATCAGTACAAAAATACTGACGCACATATGAGTGAGATCACATCGAGGCACTAGTGCCCC
ATATAACCACCGGGACCACCACTAGTCCCAACACCATGCTGCCCTCCTCTTCCAGCTCCACCCTGTCCCATCTGT
TGTTTTGGATATCCACCCTGCACACC

>trans_s_12890DQ372576|Gossypium hirsutum isolate vdr17 disease resistance-related mRNA
sequence

GAACTTCGGGGTTAATCTGACCTTCTTTCCCATGCATTTCTTAGGGCTTTTCGGGTATGCCACGTCGCATTCCTGA
TTATCCAGATGCTTACGCTGGATGGAATGCCCTTAGCAGTTTTGGCTCTATATATAGGCGCTGGGGGATTTGTT
GTTTCTTCGTGGTGCCTACAATCACTTTAAGCAGTGGAATCAGAAAAGATGTGCTCCAAGTCCTTGGGCTCTT
GAACAGAATTCAACCACACTGGAATGGATGGTACAAAGTCCTCCGGCTTTTCATACCTTGGGGAACCTCCAG
CTATCAAGGAGACGAAAAGCTATGTGAAGTAAAAGAAGAAAAAGTCTGAGACTGCTACTAAGAACCTAACAG
AACTTTTAAAGCCAATGACCGAGAAT

>trans_s_12891AY883091|Gossypium hirsutum CNGC2 mRNA, complete cds

CATCNAAGTTCGACACTATGAGCACCAGAGATGGGCAGCTATGGGAGGAGAAGATGAGATGGAACCTAATCAA
TGATTTGCCTGAAGGTCTTAGAAGAGATATCAAACGTCATCTTTGTGTTGACCTAATCAGAAAGGTGCCTCTCT
TTCAAAACCTGGAGGAGCTGATTCTAGACAACATATGTGATCGAGTCAAGCCACTTGTATTCTCCAAAGATGA
AAAGATTATCAGAGAAGGAGATCCTGTTCCAAGAATGTTATTCATAGTGTGTGGACGAGTAAACGTAGCCA
AAGCCTGAGCAAGGGCATGACAGCGACAAGTTTTATTGAACCGGGAGGCTTTCTTGGTGATGAACTGCCATC
GTGGCGTCCTCGTCGCCCATTTCTGGAAAGA

>trans_s_12892FJ467932|Carica papaya transgenic cultivar SunUp nptII pseudogene, complete
sequence

GCGAGAACACACAGAAAAGTTACCACAGGGATAACTGGCTTGTGGTGATTGGATACCTGCGATAGTACAAAG
TGATTACTGATGATAACATCTATGCACATGGTATGGGATTATTTGGACTACAAGATCAAATCAGATTCTAGAGC
AAGATTTAATAAGTAATAGTCAACAAATTGGAATTTATTTATCAACATATTTTTTTCTTCATTTGAACTCATTT
GATCATTCTTTTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCAGTAATAAATCTTTAGTTAGAAATAGC
ATAATTTAACTTTGTTGTATGTTATCACACACATTCCTTCAATTCTATTTGAAGATTTTTTGGTCTAAACTCA
AAATTCTCCTAGATCGATCT

>trans_s_12893Novel Gene

CTTGAAAAGGATGCTTTCCTGTAACTATAAAAATTCGGTGATATTTATGCCCAAGTTACTGTATCTTCTTGTGC
GCAGTGCCTTGTGACATGTAAGAACAAATTTATTTTCATTTAGTGCAAGTATATCGTTAGGACCGGTGTTGCCT
TCTTTTGTGTCCATTGGTTTGTCAACAATAATTGTAGTTTCAACTTGATTACAGTCAGGTATAGTACCCTATTT
GTACATTTGGTTTCTCCTTTTTTAACTACATGGTTTGTGTTGCGTTATAATTCATGACAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12894X97906|V.faba mRNA for transcription factor containing HMG-box

ATGACAAAAACGATACAAGGAAGAAATCAGTGGATATAAGAATACACAGCCAATGAATATAGACTCCGGGA
ATGAATCTGACAGTGCTTAGATGATCGGATCAATTTCTAGTTCTATTTTGATGCAACTTTATGGGTGAATGGCA
TATTTACATGTACTAGGTTGTTCTGTTTTGTATTAGAGTATAACATAACCTAGTTCAATTCAGTATTAGGCTGAG
GAATCTCAATGTTGAGCAAGTAGAGGTTCTAGTTATGGCTTCTATGTATGCATTCTTTTTGAAGCAACTGAAA
GAGAGATTGAACAGCCTAACTTTGCTTCTCTAAGCTGACACAACCTGGTAAATATTTAGAATCACTTCTCCAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12895Novel Gene

AAGGAGATCTTGTCAAGCGCACTGGATCGATTGTGGATGTTCCGGCGGGAAAGGCTATGCTCGGGCGTGTGG
TCGACGCCTTGGGAGCACCCATTGATGGAAGAGGGGCTCTCAGCGATCACGAGCGAAGACGTGTCGAAGTG

AAAGCCCCTGGGATTATTGAACGTAAATCAGTGCACGAGCCTATGCAAACAGGGTTAAAAGCGGTGGATAGC
CTGGTTCTATAGGCCGGGGCCAACGAGAACTGATAATCGGGGACCGACAACTGGAAAACTGCTATAGCT
ATCGATACCATATTAACCAAAAAGCAAATGAACGAAAGGGCCACCTCTGGGAGTGGGAGTGAAACATTGTAT
TGTGTCTGTACGTATCGTGGACACTTTGCCAGT

>trans_s_12896DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

CGAAGAAATGATTCATCGAAATAATGAGTCACCATCGATATCGACACATCTGAGATGGCCAAATGTTTCGGGA
GTTCTCTATTCAATCCTTTCTTTCTTTCTTATTGCTGTATATCTCGTTCGTACACGCTCCTCTCTGTTTCTCGAG
CCTATAGTGAGTTACAGACAGAGTTCGAAAAGGTCAAATCTTTGATGATTCCATCATACATGATTGAGTTGCG
AAAATTCTGGATAGGTATCCAGGAATTCTTTCTGGTTAAAGAATCTCTTTCTAGTTGCTCTGGAACAATTAG
GAGATTCTCTAGAAGAAATATGGGGTTCTGCTTCTGGTGGCAACATGCTATGGGGTGGCGGTCCCGCTTATG
GGGTGTTTACAATACGGGATCCT

>trans_s_12897AY133660|Arabidopsis thaliana At1g59710/T30E16_31 mRNA, complete cds

TCCCCTCTTCAGTCCGGAGATAGAAAGAACGGGGAATCAGCAAATTGAAAAAGTATCCTCCTCCCCTCCGATT
TTGGAGGTGAATTTGATCCTCCACAAACGTTGTACTCAGCAGTTGAAGGACGAGCGGATTCTTGTAACCGA
GGACGAAATTGAATCCAACCTCCAGAGGTGAATCCGGGTCCGAGGATTCATATGGGGGATGATCTAGGGTTTT
ATGAACAGAAGATTGAGTTTCGATATCCACAACATCAAGATCCCATAGAATCCATTCTTAGTAGCAGCCCGG
TGCGGTATATCATGAGTAACCGAGTTCCGCCACGGGGGAACACCGCCGTTAGCTCTCAAGTAATTACCGTACC
TTGTTTTGAGACGAAGGAAGGAGCCAT

>trans_s_12898HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

TCAAAACCCCAACAGACCATTGGGGCAACTAAACACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCAACACCT
TACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCACCACCTGTGTCCGCTTCCCGAAGGCACCCCTCTCTTTCAAGAGG
ATTCGCGGCATGTCAAGCCCTGGTAAGGTTCTTCGCTTTCATCGAATTAACACATGCTCCACCGCTTGTGC
GGGCCCCCGTCAATTCCTTTGAGTTTCATTCTTGCGAACGTACTCCCCAGGCGGGATACTTAACGCGTTAGCTA
CAGCACTGCACGGGTCGATACGCACAGCGCCTAGTATCCATCGTTTACGGCTAGGACTACTGGGGGTATCGAT
CCCATTCGCTCCCCT

>trans_s_12899X54738|L.esculentum mitochondrion coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

AGAATGATCGAAGCGACTGAAGAGGTTTCATATTCCATTTTCATGACTCATCTGGAGTAGCTTAATTAGTCTCATA
TTCGTTCAATTCCACTAGTACGAGGGCCCCCTCTGATAAGGAAGGAAAGGAAAGAAGAAGAAATTTGACGAT
CAATCTGGTCCGATGGCTGTTCTCCACTAACCACAAGGATATAGGGACTCTCTATTTTCATCTTCGGTGCCATTG
CTGGAGTGATGGGCACATGCTTCTCAGTACTGATTCGTATGGAATTAGCACGACCGGCGATCAAAATCTTGG
TGGGAATCATCAACTTTATAATGTTTTAATAACGGCTCACGCTTTTTTAATGATCTTTTTTATGGTTATGCCGGC
GATAGCGACAT

>trans_s_12900AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;
chloroplast gene for chloroplast product

AGAGGAGGAGATCTTCCTTCTTATATTTCTACATCTAGGATCCGACTTGTATCATTGATACTACTAGGAATTGA
ATCATTATGGCAAGGAAAAGTTTAATTCAGAGGGAGAAGAAGAGGCCAAAAATTGGAACAAAAATATCATTTG
ATTCGTCGATCCTTAAACAAGAAATAAGCAAAGTTCCATCGTTGAGTGAGAAATGGGAAATTCATGGAAAGT

TACAATCCCTACCGCGTAATAGTGCACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTAACCGGAAGACCGAGAGCT
AACTATCGAGACTTTGGGCTCTCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCACGTACACATGTTGCACCATG
TCAGTATACGAA

>trans_s_12901FN563097|*Micromonas pusilla* plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene,
tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain M1681

CCGGACCTTAGTGGGCGTGAGGAGGTGCAACGACTTGGGCACTGTCTCAACGAGAGACCCGGTGAAATTATA
CTATGCGTGAAGATGCGCATTACCCGCGACAGGACGGAAAGACCCCGTGGAGCTTTACTGTAGCCTGATATT
GAATGTTTGTGCAGCTTGTACAGAGCGAACAAGATTCCCAGGATGTGAGCGCTAGCTTACGTGGAGGCACC
CGTGGGATACCACCCTCGCTGTATGAACATTCTAACCCAGGACCGTGATCCGGTTCGGAGACAGTGTCAAGGCG
GGCAGTTTGACTGGGGCGGTGCGCTCCCAAAGAGTAACGGAGGCGCCAAAGGTTCCCTCTTTACCCCAAAA
ATCTTTCGAAAGACCCG

>trans_s_12902Z11512|*L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

CTTGGTATGGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCACAACCTCCCTCTAGACCTCTAGTAGTGGTCCTGCTAGCT
ATATGCTTAACACATGCAAGTCGAACGTTGTTTTCGGGGAGCTAGGCAGAAGGAAAAGAGGCTCAACGCTTT
GTCTCGCCTTTCAAGGTGGGAAGAGTTGAGAACAAAGTGGCGAACGGGTGCGTAACGCGTGGGAATCTGTAT
CCACTGGTGGGCCAAATCCTGAAGAAAGCTAAAAAGCGCTGTTTGATGAGCCTGCGTAGTATTAGGTCGTTG
GTCAGGTAAAGGCTGACCAAGCCAATGATGCTTAGCTGGTCTTTTCGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGT
GTGCCGGGCCTGAGGG

>trans_s_12903D12914|*Phaseolus vulgaris* PvPR4 mRNA for 5.8 kb basic protein, complete cds

TGGAAGCTCAATATTCATCACCGATCATGATTTACGACGTAACTCCCCTCTCTCCGCTCCTTCCTCAGCCAGA
AAGGAGGCCCTTCTGACAAAAGGAAAACGGAGGAGCAGAAACCAAAAAGAACAGAGACCAAAAAGCCAGTGA
GAATAAGCCCGTTATGACTGAATGAGAATGCGTTGGATTGAGTTTGTCTGTTTTGTTTTGAAATTGGC
CAACGTTATGGACAAGCTTTGAATTGTGCATCCAAACCGTGAATCGTTTAAAATTGTACCGAATTCTTGTAAC
TTGCAATGAAGATCATGTTGAATGTCGTGGGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12904AF195864|*Gossypium hirsutum* lipid transfer protein precursor (FSltp2) gene,
complete cds

GCTTTCGCCAGCGAATAGTGAGGCAGTAGATGCATGCGGTGGAGGATGATTATGATTACCATTATTTAGTT
CACCTGCTGCAGTCGGTGTTGGGGCTGATCGGGTAAGAAATACTGACACCACACTTGCCGGGAAGGCCAGC
GGCAGCTTTATAGTTGATGCCGGAGATGGATTTTGCAGCGTCTTCAAGCAGTTGCAAGCGGTGCGGCGATC
AACAGTGGTGACGGCTTGGCTGTTGAGGCTCCTAATCCCACTACAACATCCTGCTGGAACGGACGCTGCTGAT
GGGCTTTTCAAATATGGGATGCATGGCCCCATTGCAGAAGCCACTGACCCGCACGTACAGCCGCTTACCCA
GCACTACCATACACAT

>trans_s_12905AJ402961|*Hyaenanche globosa* chloroplast rbcL gene for ribulose 1,5-bisphosphate
carboxylase

CCTGTCTTCTCAAATTTGATCTCCTTCCATACTTCACAAGCAGCAGCCAACCTGAAGTCTTGCCCGTCGATTCTG
TAAGCGGCCCTGCCGTTTCTGTAGATGGAGCTGTACTTTCTGCTACGAGCTTGACACATGCTTCTAGAGCTAC
TCGGTTAGCTACGGCACCAGGTGCATTACCCAAGGGTGCCCCAAAGTTCTCCGCATCCGTGTAGTACAGAA

TCATCTCCAAAATCTCGGTTAGAGCAGGCATATGCCAAACGTGAATACCACCGGAAGCCACTGGCAGAACAC
CTGGTAAAGAAACCCAATCTTGAGTGAAATAAATACCGCGGCTTCGGTCTTTTCAATAAAATCATCACACATC
ATTTAGTTGC

>trans_s_12906AF111161|Brassica napus lysophosphatidic acid acyltransferase (ACT2) mRNA,
complete cds; nuclear gene encoding chloroplast product

TAGTAAAGATGGAAAATTAGGCACTTTCAAGAAAGGAGCATTCAAGTGTGCGGCGAAGACGAAAGTGCCAGT
TGTACCCATTACACTGGTGGGAACAGGTAGCATTATGCCAGCCGGATTGAAGGCATCTTGAATCAGGGATT
GTGAAAGTTGTTATTACATAAGCCCGTGATAGGAAGTGATCCAGAAGCATTGTGCAATGAAGCTAGGAATGCA
ATTGCAGATGCATTGAGTAAACATGTTGACTGCTGAGCTTTTCCAATGAGTAATTTTCGGTTTCGTTATCGTTTC
AGTTACTGATTTGGTATATTTGTTGTGTTGACAAGGTAATGATCTCTATGTGATTCGATTTCAATTTTAGTTTA
TACTTCACTTC

>trans_s_12907M36377|Melon 17S rRNA, 5.8S rRNA, and 25S rRNA gene region

ACGAGTCGCGCTAAGGTTAATCACTTAAATTTGCCGAGGGAGGGCCCTGCTACAGCAAAAAGCGAGCTGCCAT
GGCCACCAACTCCTGGTAGAAGGCCTTCGATAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTT
TGTACACACCGCCCGTCGCTCCTACCGATTGAATGGTCCGGTGAAGTGTTTCGGATCGCGGCGACTAACAACGA
CTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGTAGCGTAAGGTGTATGAAGTTTCATATTTT
ATTCTTTAAGCAGAAGCAGGACGATAGAGATTCCATTTAACTTAAGTTGATCTAGGTCAGAAGCATACTACG
TCAGGATAACCCCT

>trans_s_12908U39475|Glycine max chlorophyll a/b-binding protein (cab3) mRNA, nuclear gene
encoding chloroplast protein, complete cds

GAGCCTTAGGCTGCGTATTCCCGGAGCTCCTCTCTCGCAACGGAGTCAAATTCGGCGAGGCTGTGTGGTTCAA
AGCTGGATCACAAATCTTCAGCGAAGGTGGGCTCGACTACTTGGGCAACCCTAGCTTGGTCCACGCTCAGAGC
ATTTTGCGGTAGACCCGAACGTGAACCACACCAGCAAACATTACTAGAAACCGTTACGCCATTGGCGGCCAC
TCGGAGAGGTGACTGACCCCATCTACCCAGGTGGAAGCTTCGACCCATTGGGTTTGGCTGATGACCCAGAGG
CCTTCGCTGAGTTGAAGGTTAAGGAGCTGAAGAATGGAAGGTTGGCTATGTTCTCCATGTTTGGATTCTTCGT
TCAAGCTATCGTCA

>trans_s_12909AY688828|Greeneothallus gemmiparus PsbA (psbA) gene, complete cds; chloroplast

GACCTGGTGACTCGACCCATGTAACATGCTACACCAAGTAAGAAGTGTAGAACAATTAGCTCATAAGGACCAC
CGTTGTATAACCATTCATCAACGGATCGTCGAAGGGTTTATGGGTAAAAGTGCAAACCGATAGCTGCAGAAGT
AGGGATAATAGCACCAGAAATAATATTGTTTCCGTAAAGTAGAGATCCCTGAGGTTTGATTTCTTTCTTTATGA
AAGGAAAGGAAAAGCGCTCTCATTTAAGAATGCATCAAGTTCTATCTTGATTTCTGGAGTTAACCCACCTAAA
AGGGATTGTTGTAATTCTGGTTTTATACGACTTAGAATGACTCTCTCATATTGAGAAATTCTTGATGACAGAAG
CATAGAGAGC

>trans_s_12910GQ998313|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 cytochrome b6 protein
(petB) gene, complete cds; chloroplast

GCAAATATTCAAATGAGAACTTTGAAGGCCGTCATAGCATTAAAGAAGTTTGAAACTTTTTAGTACACATATCCG
TTACGAGCGGTATTTGGGTGTTTCTGTTTGAGCCGTACGAGACGAAATTCTCATATACGGTTCTCAGAGGGGG
GTCCCTTGTTTCCCAATATCAGTAAAGTGTATGATTGGTTCAAGAACGTCTTGAAATTCAGGCGATTGCAG

ATGATATAACTAGTAAATACGTTCTCCTCATGTCAACATATTTTATTGTCTAGGAGGAATTACGCTTACTTGTT
TTTTAGTACAAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCGACCGTTACTGAGCGCTGGTAGTCA
TGTTGGG

>trans_s_12911X04693|Spinach gene for plastocyanin

GGTGGCGACGATGGTTCTCTGGCATTCTGTTCCCAACAATTTACGGTGGCGTCGGGGGAGAAAATCGTGTTT
AAGAACAACGCGGGATTCCACACAACGTGGTATTCGATGAGGATGAAATTCCGAGCGGAGTTGATGCCGGT
AAGATCTCGATGGATGAGGAGAACCTTTGAATGCTCCCGGCGAGGTTTATGAAGTTCAGCTTACTGAAAAAG
GAAGTACTCGTTCTACTGCTCGCCTCATCAAGGTGCCGGAATGGTCGGAAAAGTTACCGTTAATTGATGATC
CGATCCGATGGATTCCATTTTCTATGTAATGTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTCTTGACTCATGTATAAT
AATTTTAAA

>trans_s_12912FJ463618|Pisum sativum MLO1 (MLO1) mRNA, complete cds

CAGAACAAAGATGAGCAAATGGAAGGCCTGGGAGGATGAAACCAAGACAATTGAATACCAGTACTATAATG
ATCCAGCAAGATTTAGATTTGCCAGAGATACTACGTTTGACGCCGACACTTGAGCTTCTGGAGTCGTACACC
AATTTCCCTCTGGATTGTTTGTTCCTTCAGACAATCTTTGGATCAGTTACCAAGGTTGATTACATGACACTGAG
ACATGGATTCATTGTTGCACATCTAGCACCCGGAAGTGAAGTAAAATTTGATTTCCACAAATACATTAGCAGAT
CTCTGGAAGACGACTTTAAAGTTGTTGTGGGGATTAGTCCCGCAATGTGGCTATTTGCTGTTCTCTTCATCCCA
TATTCAGCT

>trans_s_12913M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

CACTCGAAAGTGCTTCCTTCGAAAGGATAAGGCTCCCTTCTGACTGACAGCACTGAGCATGTGTGGCACTCAA
TTAGTCGCGCTGGCACCTCACTCGGCTCCTCGGCGAACTTCGGTTGCAAAGACTTGATCCTTAGGCGCATGTCT
CAGCAACACAAAACGAGGGTTTCGCTCGTTATAGGACTTGACCAAACATCTCACGACACGAGCTGACGACAGC
CATGCAGCACCTGTATGAAATTACCATCCCGTTAAGGACAGGTTTTCTTGTTTCATATGTCAAGGGCTGGTAAG
GTTTTGCGCGTTGTATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGTGCAGGCCCCCGTCAATTCCTTTGAGTTTCA
TTCTTGC

>trans_s_12914EU922473|Monsonia vanderietiae cytochrome b6/f complex subunit IV (petD) gene,
complete cds; chloroplast

TAGCGTTTTCCAGTAGTCATTCTAGGTACTATTGCATGTAACGTGGGCTTAGCGGTTCTAGAACCATCAATGAT
TGGTGAACCCGCAGATCCATTTGCAACTCCTTTGAAATATTGCCGGAATGGTATTTCTTTCCCGTATTTCAAAT
ACTTCGTACAGTGCCACGCGGTGGCGGTTTGTGGAGTTTAATGGTTTCCGTACCGGCGGGATTATTAAGTGA
CCATTGTTGGAGAATGTCAATAAATCCAAAATCCATTCGTCGTCCAGTAGCGACAACCGTCTTTTTGATTGG
TACCGTCACGCTCTTTGGTTGGGTATTGGAGCAACATTACCGATTGATAAATCCCTAACTTTAGGGCTTTTAAT
TTAAC

>trans_s_12915NM_001051149|Oryza sativa Japonica Group Os01g0815700 (Os01g0815700)
mRNA, complete cds

TTTTACGATATAAAATAAACCAACACCAATACTCTTAGTTCTTGAAAGAAGATAAATACCTTGGGTGTTTCATG
TTCTTAATTAAGTGCATCATTCTCTCTTTGGTGGGTCTGAACTGACAATGGGCAGATTTCTTCTGTATTGAG
GCGATGTCAACCTTCTTTCCAATGGTGTTTTCTTGTGCTGACTACGAACCTGTTGACACCTTGGCGCATCGGCA
TGATTGATGGAAAATCTTCATCAGGAATCTGACTTAGTTCGGAGATGTCCTTGATCTGAGCAACACGACGGAA

CCATCTCTGTGCTTTAGCTTCCTCTGACATGTCCAATGGATCTGGTTCGGTAACAGCTGAACCCTCCAACTCTT
TC

>trans_s_12916AP009366|Aethionema cordifolium chloroplast DNA, complete sequence

AAATGTGATTTCTGCCCAGTGCAATGATTGAAGTTTTCTATTTGGAATCGTATTAGGTCTAATTCCTATTACTT
TGGCTGGATTATTTGTGACCGCATATTTACAATACAGACGGGGGGATCAGTTGGACCTTTGATTAATTAACAG
TTCTTTTTTTTATTGATTGACCCCTACTTGCTTTATAGGAGGTAAAATTTGATTTCTGTTGAATTATTTAGTATCA
TTTTGATTAAACAACAAGAATCGAATCACGCTCTATAGGATTTGAACCTACGACGCTAAACCCCAAGAGTT
TATACCTCGTTAGGTCAGGTCGGAAGCGTGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATC
ACT

>trans_s_12917M72889|Solanum tuberosum U2 small nuclear RNA, complete CDS

AGTGTCTGCCAAAGGTAACGACAATGGGTATGGCCGCGGTATCATAACCAGAGGGGTGCGCCAGGCCCAAG
CTGTAGTGCAACGCATGGGCGACGCTCGAGGGCCCTGGCAGCAAGCTACCATGGTGGATCCTCCCCCTTGAA
AAATTAATTTAATATCATGTGAGCCGATGGCCACGTATCAGAAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGG
TTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATATCTGTAAAATAATAACATCACCTTTATATGATTCCCTATAGATACCTA
CATCCATATAGGTATATTGCCCCGCCATGGCCCCTTAGACAACGCCCTGTCCCTATTCCCTTTAGAAACAGGCG
AGATGTGGA

>trans_s_12918M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons
1-2

TGTTTGAATTCGACCTCTCCTTATACGCGGGGTCATGGACTCCTTTTTCGTTTAGGATCCCCTTTGACATTCA
ATTCTTTCTTTTTCTTGGTGTGGAATCACAATCATTACACATTATTCTTGGTCTGGCTGCTGGTCTAGCGATCC
CTCCTCTCCTAGCCGCCCTCTCCGCCCAATCCACTCAAACAACAATCAAACTACAATCAAAAATCAGACTCGT
TAGTTTATTGTATTCTTTTTTGTCTAGTTTTGTTGCTTGGTCGTAGTGCAGCTGCCTGTTGAAGACCGTAAC
GTAAGTAACTCAGTGCTCTATACGGGGGAAATGAAAGCAGAATACGTTCCGATCTTCTGTATTCCAATTACG
T

>trans_s_12919Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

GTAAGACGGGGGGGGCAAGTGTTCTTCGGAATGACTGGGCGTAAAGGGCACGTAGGCGGTGAATCGGGTTG
AAAGTTCAAGTCGCCAAAACTGGTGAATGCTCTCGAAACCCATTCACTTGAGTGAGACAGAGGAGAGTGG
AATTCGTGTGTAGGGGTGAAATCCGGAGATCTACGAAGGAAGGCCAAAAGCGAAGGCAGCTCTCTGGGTCC
CTACCGACATCAAGGTGCAGAAACATGGGGAGCGAACGGGATTAGATACCCTGGTAGTCCATGCCGTAAACG
ATGAGTGTTCCGCCCTTGGTCTAGGCGGATCAGGGGCCCAGCTAACGCGTGAAACACTCCGCCTGGGGAGTAA
GGTCGCACTCTTGAC

>trans_s_12920M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

CCGGGTGGCTCGCGTGAATGCCGATTTAGTAAAGCGCGATATAGAGCGCACACTCGAAAGTGCTTCCTTCGA
AAGGATAAGGCTCCCTTCTGACTGACAGCACTGCTACGTGCTGGCACTCAATTAGTCGCGCTGGCACCTCACT
CGGCTCCTCGGCGAACTTCGGTTGCAAAGACTTGATCCTTAGACGCATGTCTCAGCAACACAAAACGAGGGTT
TCGCTCGTTATAGGACTTGACCAAACATCTCACGACACGAGCTGACGACAGCCATGCAGCACCTGTATGAAAT
TACCATCCCGTTAAGGACAGGTTTTCTTGTTTCATATGTCAAGGGCTGGTAAGGTTTTGCGCGTTGTATCGAATT
AAACCACAT

>trans_s_12921FJ463618|*Pisum sativum* MLO1 (MLO1) mRNA, complete cds

TGTTTAGTAAGGAAATAATTTCCATTCTCAATGGCTGAATGTGGAACAGAGCAGCGTACTTTGGAAGATACTT
CAACTTGGGCTGTTGCGGTTGTTTGTCTTTCTTGGTTGTTATTTCAATCTTCATTGAACATGTCATTCACCTCAC
TGGAAAGGTAAGCGTTCTCTAGGAACTCATCGGTTATGTTTTGAAATCCTCCAACTGTTAAATCGAGTTCAA
CATCATGTGGGGATGAGGGGGCATTGAACCGCTAATCTCTTGATTGAGAGTATATGTTATAACTATA

>trans_s_12922GQ998319|*Gunnera manicata* voucher FLAS:M.J. Moore 325 photosystem I P700
apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

TAACTGTGTCCAATCCCGAAGTTAGTTCTATACATATGACCAGCAACAAGAAAAATAAATGCAATAGCTAAAT
GATGATGAGCCATATCAGTCAGCCATAAACTTTGCGTTTGGCGATGGAATCCACCGAGAAGGGTTAGAATGG
CAGTTCCTGCTCCTTCGGTTCATGGTTTTAAATGATTATTCGAATCGGGGTTTTGAGCATAAAGATTCCACTGA
CCTGTAAAAAGTGGTCCTAATCCTTGTGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCG

>trans_s_12923HM066935|*Nicotiana tabacum* transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

GTCTAAAGTTTGGCCACATTATTCAGGCCCAAGCCACCTACAGACGCTTTACGCCCAATCATTCCGGATAACGC
TTGCATCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGATGCTTATTCGCCAGATACCGTCATTGCTT
CTTCTCCGGGAAAAGAAGTTCACGACCCGTAGGCCTTCTACCTCCACGCGGCATTGCTCCGTCAGGCTTTCGCC
CATTGCGGAAAATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGGCCGTGTCTCAGTCCCAGTGTGGCT

>trans_s_12924XM_002324011|*Populus trichocarpa* tubulin alpha-7 chain (TUA7), mRNA

AGGTAGGCCCCACGCTTAGCGTACATCAGATCGAACTTGTGGTCGATGCGAGAGAAGACCTCGGCTACACTGG
TGGAGTTCGAGATCTTGACACAGCTCTTTCACCCGGGCAAGATCGCCTCCAGGGACAACAGTGGGTGGCT
GGTAGTTGATACCACACTTGAATCCAGTGGGGCACCAATCAACAACTGGATGGTGCGCTTGGTCTTGATGGT
GGCAACAGCAGCATTACGTCCTTAGGCACAACATCTCCACGATACATCAGGCAGCATGCCATGTACTTACCG

>trans_s_12925EF207456|*Ribes americanum* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAAGTATGTTCTCAACACGTTGACATAGCACGGGTGCCACCCCATCTGGGTAGCCAACATAAGAGCGGATAAC
TGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCCACTCGTCTGTAGAGAAGAGAGAGACTTCCCCAGAGCCTCCG
GTAGCACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTGCCCCGTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAA
GAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGAACACGTGTGATGTATGCA

>trans_s_12926GQ997985|*Berberidopsis corallina* voucher FLAS:M.J. Moore 326 RNA polymerase
beta' subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

AGGTTAGGATACTTTTTACTATTAGATAGTACCCATAAATCTCATGATGGGTACCCAAAGATTCATAGTGAAC
TCGATAGGGGCTTCTCTTGAAGCAATAACGCGTTGATCTAGTCGCCATCGGAGCCACAAAGGACTATCTAAAT
TGATCCTTTTCTGGCGATAAGCTCCAATTGCATCATAGGAATTACAAAAAAGGGTCTTTCGTATATTTATAG
TTATTATTGTAAATTTTTGCATTTTATGATTTTTCGATTAGATGGATTATACCGATTTCACAAAT

>trans_s_12927X57163|*T.aestivum* nad4 mRNA for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

AATGATCGCCGTGTTCTGCATGCTGGATCTTCTACTATTCTATGTTTTTTTCGAAAGCGTGCTAATCCCTATGTT
CATTATTATAGGGGTATGGGGTTCGAGACAAAGAAAGATCAAGGCAGCATATCAGTTTTTCCTTTATACTTTAC

TGGGATCCGTTTTGATGCTATTAGCTATTCTGTTGATTCTTCTCCAAACAGGAACCACCGATTACAAATCTTAT
TAACCACAGAATTTAGTGAGCGGCGCCAATAGAAAGATACCTAACGAAAAAGCGGAGAAAGCGG

>trans_s_12928AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete
sequence

TACCGAAATGGGTTCTTACAAGAAAGAATTACTTCTACCAAGGAAGGGTCCATAACTTCTATTCAAGCTGTTT
ATGTACCTGCGGACGATTTGACCGATCCTGCTCCTGCCACCACATTTGCACATTTGGATGCTACTACCGTACTA
TCAAGAGGATTAGCTGCCAAAGGTATCTATCCAGCAGTAGATCCTTTAGATTCAACCTCATGATACCCTGTTTT
TTTAGGGTAAGAAGGGGTAGAGAAAATACCTCGAGCCAATGTTTCGAGTACCAGGCGCTACGGCGCTG

>trans_s_12929L49152|*Mesostigma viride* large-subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast gene for chloroplast product

CCTCGTGTATCACTGCTGGGGGTAGAGCACTGTTTCGGCTAGGGGGTCATCCCGACTTACCAACCCGATGCAA
ACTACGAATACCGAAGAATGTTATCACGGGAGACACACGGCGGGTGCTAACGTCCGTCGTGAAGAGGGGAAA
CAACCCAGACCGCCAGCTAAGGTCCCAAAGTGTGTGTTAAGTGGAAAAGGATGTGGAGTTGCTTAGACAACC
AGGATGTTGGCTTAGAAGCAGCCATCATTTAAAGAGTGCCTAATAGCTCACTGGTCGAGTGAAGTCTGCGCCCT

>trans_s_12930EF590391|*Corylus avellana* cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)
gene, partial sequence; chloroplast

AAAACCCCTTCTCAACGCTCTTCTCTTGACAGAAAGAAAGGGAGATGGTTCCATGTGCTCTGTTTCATTATTTTG
ATTTAGGCTCTGGAGCACTACCAAAGTTTTTCAAAGAAGGGGTTATCCTGACGTAGGTATGCTTCTGACCTAG
ATCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAACTTCATACACCTT
AAAGTTGTTTATAAGATAGGACGAAACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCC

>trans_s_12931Novel Gene

GTGAACTTCACATCTCTCTTTCAAGGAGGCAGCGGGGATTTCGACTTCCCCTGGGGGTACCACAAAAAAAAG
GAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGAATTGATTCAACCCGGGTGATGCCCGAGCGGTGCGCAAAA
GTAAGTCACGGGCCTACCAATGGCGCACTCGTATCAACCTGGGCTTGATCTAATTTGTTGCGTCGCGTATCCAC
CATAAAATGATATAACCTATTTGTCCTTCTACAGAAATACTTGATATGAAAGAATAACCGAAACAGGGAG

>trans_s_12932DQ197370|*Tiquilia mexicana* isolate 135 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACCACGCTGGGGTTAAAAACCTAATCCTCAGAGACCCGTTTCAAATCAACCACACAGTAAGAAATCATGGAAC
CAGATGAGGATTCCCAGACAGAAAAATCCCCCTAAATTGGGCTATCTTGACACGAGGGTAGGCTAATGATAA
GGCTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCTTTTTGGAGTGTATACGGCACT
TCCTATCAATTGTGGGAGTGTTCGTCATTGGAACGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTT

>trans_s_12933DQ536659|*Cucumis melo* voucher Unvouchered store-bought melon maturase K
(matK) gene, partial cds; chloroplast

CGATGCCGAGGCCACCCAAGGGTTAACGTTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAATTTTCGCT
TTAGCCAATGATCCAAGCAGAGTAATAATAGGAACTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAA

ATGAATTTTCTAACATCTGAGTCCATACCACTGAAGTATTTAATCGAACACTTGAAATATAGCCCCAAAAGTCA
GTGACCACTTACCCGCAAACACTATACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGG

>trans_s_12934XM_002873917|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin alpha-3 (TUA3), mRNA

TTTGCCAAGGATGTTTTCTTAATCAAGAACGAAAGTTGGGGGCTCGAAGACGATCAGATACCGTCCTAGTCT
CAATCCTTCCCTTCCTTGAGAGAGATTGGATTTTGATTGCGGATGAGGGAGATTATCAGTCTTCATATTGGTCA
AGCTGGAATTCAGGTCGGTAATTCTTGCTGGGAGCTTTACTGCCTCGAACATGGCATTAGCCCCGATGGTTTG
ATGCCCAGTGACACATCGGTTGGTGTGTCACATGATGCTTTCAACACGTTTTTCAGCGAAACTGGTTC

>trans_s_12935AY555313|Stephanandra tanakae isolate 162 external transcribed spacer and 18S
ribosomal RNA gene, partial sequence

CTTACAGTACGATGGCTTAATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAGCTGGAGAGT
GTTTCCTCCCCTACCGCATGCATGCCAACGCCAAACGGCATTGGAGCAATACGGGGAGCGAGCGTCATTTCGTT
CGAGCAATGAGCAAAGGCAACACGTTTCGAGGGACTTATCATGCCACCGAATGCACTGCATCCGAGAGAGCG
AGCGCCAACGACGCGGCCCCGAATGACAACCGAAGATGTCAAGGCGGAACGCGATGCGGGCTATCGCCTT

>trans_s_12936DQ911149|Cucumis sativus S-adenosylmethionine synthase-like (SAMS) mRNA,
complete sequence

TTTCGTCTGGGAAAAAAAAAAGAAAAAGATAACACGAAAATCATTTCATGAGGAAGTAACAACAATCCCAGATA
TTGAATTGTAAGGAATTAGAGACCACCAACCGAATCCTATCCGATTTAAGATTGAGGCTTCTCCCACTTGAGTG
GCTTCACAGTTTCCAGGTGAAATCTGGGTGCTCCCTTCCAAAGTGTCCATATGCAGCAGTCTTCAAGAATCTG
CCATTGCCACCCCTCTTTAGATCAAGGTTGATGGTGATCATTCCTCGCCTGAAGTCGAAGTTCTCCTT

>trans_s_12937AJ311624|Pisum sativum mRNA for Germin-like protein (glp3 gene)

CTCACGATTTGAAACGCTTTAGCAGAGAGCTGACAAACCCAAGAGCAGTGTTTTGCCAGAGTTTATTTGAAA
GTGCAGCAGTCCTTGAGGGAATACCATAATGTCACCTTTGTTCAATGTTTTGAAGTATACAGTATTCGCCGACG
AAACAAACCCGGCACAGATCGTGTTCTGACCACGAGCAGAATTTCCGATCCGGCAGGGTGAGTGTGCATTG
GTATCACTCCGCCTACTGCTATGTCGAGGCGAGCTAGAGAGATTCCAAGGCCATTACACCCGGGAATT

>trans_s_12938Novel Gene

GAGGCGTAGGTATAAATAAGAGCCTGAAGAACCGTTAGTAGAGCTATTTAGAGGGAATGCGTAGTTGTTTAA
GCCTCAATTTTTTTGTGCCTGATGAACCCCATGAGTTATAGTTTTTGCCTGTCTATGCCTGATGAACCCATAAG
TTATAGTTTTTGCACGAATTACTTCCAACCAATTAGAGCCTGGAGAGCCAACATGTGTTGCAATTAGCAATAAA
ACTGCTAGGAATCCATCATTTGCAAACATAAATTCCAATAAAGCAATCCCAAGATAAATTCCAATAC

>trans_s_12939GQ998446|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 clp protease
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

AATACGATCTTTTCAACAACCTCTCGTTCTTACATTTCTTCAAAACCAAGTGCACCGTCTCGACTGGAATCGGTT
CCTCGATCCAGCCAAAATTTACTCAAAACCTTGCATATCGAATTCTCCAGCATCACTCGTCTGAGATTCTTGC
TTTTGGATTCTCAGGCCCTTCTTATTGCTGGTACATTTTCTAAAAAACAGGTTATGTATCGAAAGAGTAGTAT
GAGATAAAAGGCATTTCCGATCACGAGCTGAGGGCGATATTCTTAAGAGGGGTC

>trans_s_12940AY488030|Capsicum annuum ly200 protein mRNA, complete cds

AAAGGAAAGAGATTGTTGAGAGGGCAGCTCAACTCGATGTTGTAGTTACCAACAAGCTTGCTAGGTTGCGCA
GCCAGGAGGATGAATGAGCCTAGGCCCTCTTTTGTGTTTATTAGTGATGTTTTTTATTACATCTCTTGCGAACT
AGCAACATTGACTTTTGCGGTATTTCTATTCTACCTGATGTCTTTTACTTAACGATTCTAATTCCATTGTCATTT
TTGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12941GU478980|Bruguiera gymnorhiza isolate 3496 peroxidase mRNA, complete cds

CACACACACACAAGATGGTTGTGATCAGATCTTCGACAAAGCAACCACTCCAGGGGTGTCAATACCCATGGCA
GCAAATCTTTCAAGGACAACAGACATGCTTTCATTGTGGTCTGGAAGATAGTTTTCCAAAATATCAGCTCTGCT
TTTTCTCCATCTCTTCTGCCTGTTCTAAGTGGGATGTAAGGCCCCCAAGAGAAACAATGCCATCTCTGGCTG
ACAGAACAAAGGATATCTGCACAGGAGACAACCTCCAGGGCATTCTCTTCCACCGCCT

>trans_s_12942Y11607|M.sativa mRNA for protein phosphatase 2C

CAAGAAAGGCAACCTTGTTATTTCCAACGCCGGTGATTGTCGTGCCGTTCTCAGCAGCCAAGGTGTTGCCGAG
GCCATCACTTCCGACCACCGCCCATCCCGGAAGACGAAAGGCACAGGATCGAGTCCACGGGTGGATATGTT
GATTTGTGCAATGGAATTTGGAGAGTCCAGGGATCTCTGGCTGTAACAAGAGGAATTGGGGATGCTCACCTC
AAACAATGGGTGATAGCCGAACCGGAGACAAGGGCACGGATGCGATCTAACATCACATCTG

>trans_s_12943DQ226756|Boechera divaricarpa isolate SLW-D-E01 mRNA sequence

CAGAGCCCGCGTCGACCTTTTCGGTGACCAACGACCTAATACTACGCAGGCTCATCAAACAGCGCTTTTATAGCT
TTCTTCAGGATTTGGCCCGAACTGTTTCGGCAGATTCACGCGTTACGCACCCGTTCCGCACTTTGTTCTCAACT
CTTCCACCTTGAAAGGCGAGACAAAGCTGGTCTAAGAGGGGACTTCTGCCTAGCTCCCCGAAAACAACGTTT
GACTTGCAATGTGTTAAGCATATAGCTAGCGTTCCTTCTGAGCCAGGATCAAACCTCA

>trans_s_12944Novel Gene

TGGTTGAAAAGGGGGGAAAAAACCTCGGGTCCGGAAAAAGGGGGTTTGGAATAGTTTTCAACCAGCAA
TAGACGCGCCTCGTTAGTAGACGATGATATCGAATCGTATTTAAATATCATGAATAACAATATCGGAGCTAT
CAAATCGATTTCATCGTCGAGAATTGAATAGTATAACATAGGAAGATCTTTATCCATACCGAATTTAAACAAAA
TGGGATTCCTGATGCAATCAAATATTCCCTTTGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCT

>trans_s_12945Z14078|T.aestivum mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

GGATAGCATGATTCTGCTATTTACTGAAAGAAAGTGAATATAGGATTCAATCCAGCCACAGGTTCCCC
TACGTAGCAAGGTGTACGACTTCACCCAGTCGAAGACCCACCGTGGTATGCGCCAATAAGACCACCAAAG
CCTTTGTGGCACTAGTGGTACACGGAAGTCATGGGTGATCATTGGTCCGATGCTTCGGGCGAAACCCATTCCC
AGGGTGTGACGGGCGGTATGTACAGGGCCCCGGGTACATATTCACCGCGGCATG

>trans_s_12946AF297541|Cornus controversa 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATCATGGTAGGGGGTCGAAGAGCTACAGCCCTCTTTCCTATCATTGTGAAGCAGAATTCACCAAGTGTGGAT
TGTTACCCACCAATAGGGAACGTGAGCTGGGTTTAGACCGTCGTGAGACAGGTTAGTTTTACCTACTGATG
ACAGTGTGCAATAGTAATTCAACCTAGTACGAGAGGAACCGTTGATTCGCACAATTGTTTTTGCGGCTGTC
CGACCGGGCAGTGCCGCGAAGCTACCATCTGCTGGATTATGCGACTTGCGGTC

>trans_s_12947AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ACCCCGTGGAACGCTCTTTAATGGAACCTTAGCTTTAGCTGGTCGTGACCACTCCCAACAATTGGGAGCTTG
GTGGGCCGGGAATGCCCCGACTTATCAATTTATCCGGTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGGATTA
ATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTTCGTACCGGAGAAGCCCATGTATGAAC
AAGGATTAATTTTACTTCCCCACCTAAGGCCCTTCCCATGAGTAGTCCGGGCG

>trans_s_12948Novel Gene

CAAAAAAAGGTGTCCGCCCCCACGTAGCGGTCGCCAAACGGAGACGAGAGTTTCGCCTTTCGGCCGCGCCA
GTCGCGTAGGGCGACCGGACCAGGCCGAGTCAGAAAGGCTTTGATGACTCAAGGTGAATCCACGGAGCGG
GAAAGGAGAGTGAGGGGAAGAGGGGGCTGCCCTCGGGGGCTCTGCTTCGCTCGCTCCAACAGACAGGCATG
GTTCTGTAGTCAAAGCTACTTCGTCACTTTCGTGTACCCATCGGACGGCAGCCCTTTC

>trans_s_12949Novel Gene

AGATGAGAAGCTATCCGTTATCCATCACCAAATTGCGCCACTCTGAAGCCGATCTAAGTTTTCTTCTAAAT
AATGAATTTTTGATCCATGATCGTTCTCATTGTTTAGGTTTATATAGTGAGATGTGAATTAGTATAGTTTCCTCA
TGGTGACACCGCTTCCACACCACTTGAAAAGTAAGTGGGGAATGCTGAGAGGAGACCGCCAAGCTAATCTG
GTATATTTTTCTCATATATTTTTCTCTCCCATCTCTCAAGACCATTGAAA

>trans_s_12950AF008955|Corallocarpus bainesii 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

ATTTATTGTTATGGCCCGAGAAGCTCAGACACAAATTGGAATGAGTACAATCTAAATCCCTTAACGAGGATCA
ATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCAGCCGCGTAATTCCAGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGT
TAAAAAGCTCGTAGTTGGACCTTGTTGGTGGTCACGATGTCCGCTATGGTGAGCACCGGTCGGCTCGTCCCT
TCTGCCGGCGATGCGCTCCTGGCCTTAAGTGGCCGGGTCGTGCCTCCGGCGC

>trans_s_12951EU016746|Anethum graveolens 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial sequence;
chloroplast

CTTCACTGTTCCCTGGGATTGGCTTTGGGCCTTTCCTGCGCAGCTTAGGTGGAAGGCGAGAGGAATTTTTTCC
GGGGGGGCCCCAGCCATCAGTGAGATACCACTCTGGAAGAGCTAGAATTCTAACCTTGTGTCAGGACCTACG
GGCCAAGGGACAGTCTCAGGTAGACAGTTTCTATGGGGCGTAGGCCTCCAAAAGGTAACGGAGGCGTGCA
AAGGTTTCCCTCACTTGTAGTGATTTATCATTCAATGAATGACTGAAAAGTGA

>trans_s_12952Novel Gene

CAAAAAAAGGTGTCCGCCCCCACGTAGCGGTCGCCAAACGGAGACGAGAGTTTCGCCTTTCGGCCGCGCCA
GTCGCGTAGGGCGACCGGACCAGGCCGAGTCAGAAAGGCTTTGATGACTCAAGGTGAATCCACGGAGCGG
GAAAGGAGAGTGAGGGGAAGAGGGGGCTGCCCTCGGGGGAGACGAGATATCGCTCCAACAGACAGGCATG
GTTCTGTAGTCAAAGCTACTTCGTCACTTTCGTGTACCCATCGGACGGCAGCCCTTTC

>trans_s_12953AF143332|Musa acuminata retrotransposon monkey sequence

TTCCAAATCTGCTTTGTGAGGGTGTTAACTATCCTTCACGGCATACTGTGAGGTTTTTGCAGCGAGAAGCCATC
GAATTAGAATGTTGTTCCCATCCGCCAGTCAGCCTTATCATTAGCCTACCCTCGTGTCAAGATAGCCCAACCCG
GGGGGATTTTTCTGGTCGGGAATCCTCATCTGGTTCCATGATTTCTTACTGTGTGGTTGATTTGAAACGGGTCT
CTGAGGATTTCCAACCTCTGAACCCATGAGCAGACCACTAAACGCATCG

>trans_s_12954AB182918|Citrullus lanatus CLMT2 mRNA for type-2 metallothionein, complete cds

AATCGCTATAAGTTATACTCTGATTACCAAACAACTTTCAATTCTTTTTGTTCTTCGTTATTCATTGTCGAAAAT
GTCTTGCTGTGGTGAAACTGTGGATGCGGCTCTGCCTGCGGACATAAGTATGGCTGTGGAGGATGCAAGAG
TTCCCTGACTTGAGCTTCTCAGAGACCACTGCTACGATCGAGACTTTCGTAGTCGGTTTCGCACCTCAGAAGA
TGTCTACGAGGTAGCAGAGATGGGAGCCGAGAACTTGACTCAGTCTTT

>trans_s_12955EU164989|Agathis alba 16S small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;
chloroplast

GTGATTTCTGCCAGTGCTCATAGGTTTGGTCCTAGCCTTTCTATTAGCTCTTAGTAAGATTACACATGCAAGC
ATCCCCATTCCAGTGAGTTCACCTCTAAATCACCACGATCAAAAGGGACAAGCATCAAGCACGCAGCAATGC
AGCTCAAAACGCTTAGCCTAGCCACACCCCCACGGGAAACAGCAGTGATTAACCTTTAGCAATAAACGAAAGT
TTAACTAAGCTATACTAACCCCAGGGTTGTGACAAAAGCACGGTTAACATA

>trans_s_12956GQ997194|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 RNA polymerase beta"
subunit protein (rpoC2) gene, complete cds; chloroplast

AAGCGATCTGTTACCGAGCCGTATTATTGGGAATAACGAAAGCATCTCTAAATACTCAAAGTTTCATATCGGA
AGCAAGTTTTCAAGAACTGCTCGAGTTTTAGCAAAAGCCGCCCTCCGAGGTCGTATCGATTGGTTGAGAGGT
TTGAAAGAGAACGTTGTTCTAGGAGGAATGATACCAGTTGGTACCGGATTCAGAGACGGCTATACAATGGAG
AGGCAACATAACAATATTCCTTTAGAACCCCCCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_12957DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GGCTAAGACGGCAGCCGGTGAAAAGAAGGATGAATCGCTCCCGAGGGAAGGCTCGCCAGCCTCTCTTTGGCC
AACCAAGTTACTCCACGCTACTAAATGAAGTGCCCCGCTCCAGAGACCAAGTTCAGGTCCTACCGGGTCGATGC
GGTTCGAAAAGAATAAAAGAATAGAAGAAGCATCTGACTCCTTCATGCAGGCCCCACTTGGCTCGGGGGGAT
ATAGCTCAGTTGGTAGAGCTCCGCTCTTGCAATTGGGTCGTTGATCGGCATTTG

>trans_s_12958AJ430971|Carpodetus serratus chloroplast tRNA-Leu gene for transfer RNA-Leu and
partial tRNA-Phe gene for transfer RNA-Phe

AGAGAAGAGAGAGATGAAAGAAGATAGACAAGAAATCCAATAGGAGGAAAACTTTAGTTAAGAGGAATCG
GTATTCTAATGACTTGAGTGGTTCCAGTATAATACAAATGAAAGAAAACGGGGAAGGACATCATAATGCGAT
ACTAATCTTAAAAGAGGGGGATATGGCGAAATCGGTAGACGCTACGGACTTAAATCCGTGACTTTTAAAT
CGTGAGGGTTCAAGTCCCTCTATCCCCACCAAGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTC

>trans_s_12959AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

GCAGCATGAGTATTGGCGTAGTCCAGAGGTTCCACTTGTCGGAGAGTTGAGTGTTTTCCAAAAGGAGAGTAC
GTAGTTCTTCATATAGTTTTTAACTGTGGAAACCTGCAAGGAGAGCAACAAGAGGCATTTAAGAATAAAATT
GAGGGAGCAGTTAAGTACCTGCTTCCAAAGGTCAAGGACTTGCAATTCTTCGTTGGGGAGAGTATGGCCGAT
GATAGCGCAATGGTATTTGCATACTACCTAGGAAGATCGTCACAAACACGCC

>trans_s_12960Novel Gene

AGGACAGAGTGAGAGAGCTTTCTGTGTCTGCTGTACGGCCAAGGCGTCTCAGATTGAATAGTATAACATAGG
AAGATCTTTTATCCATACCGAATTTAAACAAAATGGGATTCCTGATGCAATCAAGAATTCGTTACTTTTTTTA
TTTATAATTTTTGCATTCTTTCTTTCTATAATCTACTGCCCTCTTATTCAATGCAATCATCTGATGAAGTCTCAT
CAGACTACCTTTACCCTTACATTGTTTATAAACTCAGATGGG

>trans_s_12961GQ998423|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 ribosomal protein
S16 (rps16) gene, complete cds; chloroplast

TTTCTGGACCAAGCGGTCTCTGTATTTCTTTTTTGGGAATTCGAATTCTGCCCTGCCCTATGAGCGGTCTCT
AACCTCTTTATTTTGCCTGTCTCCGTTAGAATCTATTTGATTCTTCATTCTGATCTAGTTTAGTTATTGAGACA
ATTGAAAAAGATTTTACTTGTTCCGGGATCCTTTATCCTTTCTTGAATCATTAGGTTTAGACATTACTTCGGT
GATCTTTAATCGTTTCAAATGGTAGCAACATACAACAGGGTG

>trans_s_12962AB182918|Citrus lanatus CLMT2 mRNA for type-2 metallothionein, complete cds

TGGACATGACACAGTGGCGACTGGACTAAGTTCTCGGCTCCCATCTCTGCTACCTCGTAGGACATCTTCTGAG
GTGCGAAACCGACTACGAAAGTCTCGATCGTAGCAGTGGTCTCTGAGAAGCTCAAGTCAGGGAACTCTTGC
GCTTCTTGACCATCTTATGTCCGACGAGCCGATCCACAGTTCCACCACAGCAAGACATTTTCGAC
AATGAATAACGAAGAACAAGAAAGATTGAAAGTTTGGGGTTGCCGACT

>trans_s_12963Novel Gene

GCCAGATCTTCCAACCTTTTCACAACTCAAATTCTTTGACCCTTGACCTCGTATGAAAGGTCAAGCGGCTTGCT
GGTTTTTCCATCATCCAATCCACAACAATCGAATGAAACCTGGCGAAAAAGAAAAAGAAGTTCACACCTGTG
TCCTGCTGAGGAACTCGCTCGACCCACGAGCGGTTCAAGAAGATCGACTTCATGACCTGAAGAAGATCG
ACTTCAGTCAATGAACAAAGCCTCGTCTTTCTTTCTTTTGGCCCCG

>trans_s_12964AY375335|Gossypium barbadense fiber polyubiquitin mRNA, complete cds

AGACTAAGATCCAAGACAAGGAGGGAATCCACCAGACCAGCAGAGGTTGATCTTCGCTGGAAAGCAGCTTG
AAGATGGAAGGACTCTGGCTGACTACAACATCCAGAAGGAGTCAACCTTGCATTTGGTGCTTCGCTCCGGGG
TGGAATGCAGATTTTTGTTAAGTGGAAGTGGCTTTCTGGTAGTGGAACCTCCAGGAGAGCTCCGACACGATC
GATAATGTGAAAGCTAATAAGTCTCACCTTCCTCGTAAGGAGGCCTAGT

>trans_s_12965GQ997359|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 RNA polymerase beta'
subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

TTTGCTAGGCCTATAGCTAAAAACCTACTTTCTTACGATTACGGGGTTTATTCGAATATGAAATCCAATCCTG
GAAATACAGCATCCCACTTTTTTTTACTACCAAGGCTTCGATACATTTGAAATCGAGAAATTTCTACTGGAG
CAGGGGCTATACGAGAACAAATTAGCCGATCTGGATTTGCGACTTATTATAGATTATTCGTTGGTAGAATGGAA
AGACGGCTTATGGAGGAAGTTATGCACCTCTGCAAGAGACCTCTCT

>trans_s_12966EF207449|Liquidambar styraciflua inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CCACGGGGCGGGGACGCTTAATGAATTATGAGTTCAATACATCCTGTTTAGCAGAAAGACGGACATTCCTTG
CTCATTATCAGACAATCACTTATTCACAAACCTCGTGTGGGGCTAATAGTTTTCATTTCCCATCTCATGGAAAC
CCTTTTCGCTCCGCTTATTAGCCCTCCCCCTCTAGGGGTATTTAGTGATAGGTTCTATAGGAACTGGACGAT
CCTCGGGTTGACCCGCAAGCTATCACCAGAAGCGAGGAAGGGAT

>trans_s_12967AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein mRNA, complete cds

TTGGGGAGAGTATGGCCGATGATAGCGCAATGGTATTTGCATACTACACTGAAGGAGCTACTGACCCAACATT
CTTATACATTGCCCTGGTTTGAAGGAAGTCAAGTGCTGAAAGAACAAAACCTTTGGAGCAGAATGCTTCATGT
AGCATTATTAGTTTCTACTATATTTGCCTTTTTCTCATGACATTTGAATTTGGATGGTTTGGGCTGTTTTGGGG
GTTGGGCCCCCAAACCCCTTGGGGGTGGGAACAAATGACCCTCGA

>trans_s_12968Novel Gene

CATTGCTGGAACAAAAGAAAGAGAGAAATGGGACGGACTAAGTTAGCCCTCAGATCTCATAGCTTTGATAGA
ATCATACACGGTACAAAGCAAATGGTGTTCAATCATCAAAGCCTTTACAGATAGTGATGTGTGTGCGATTAG
ATGTATGAATTGAATGAAAGAGGAGATGATGGTAGAGGTGGAGATAAGAAAAGGCTAATGACGAACAAAGC
CACCTGCAACCGTTCAATTTATATAGATTTTCCATCATTGGGCGAACCTCG

>trans_s_12969AF040743|Gleditsia fera ribosomal protein 16 large subunit (rpl16) gene, chloroplast gene encoding chloroplast protein, partial cds

CTAATTTAGAAATATAATAAAATGGAAACGTTTCGCGGGCGAATATTTACTCTTTTTATATATGTTTTGGCCCTA
AACCGACCGATTTCAGGTCTACCTCTCATAATAAATGGATTGGTCTTGGGTTCTTCCGCCATCCTACCCAAT
GAATTATTAGGATTCGTTTTCAATAGAATATTATGTATTCACGGGTTCCCTCGTCCCATCGCCTCTCGATTAA
GGTTAGGTCTTAATTATACAATGGAGCCAAATACGAATGCCCC

>trans_s_12970EF463915|Diplazium hachijoense ATP synthase alpha chain (atpA) gene, partial sequence; chloroplast

CAAACCTACTCCCCGGGCCGATAATCTCCCTCAAAGGCGTGAATGCAAATAAAAAACATCTCCCGGATAA
GCTTCGCGGCCCGGCGGTCTTCGTAAAAGAAGAGACATTTGTCGATAAGCTTGTGCTTGTTTGGAGAGATCAT
CATAAATGATTAAAGTGTGTTGTTTTCTGTACATAAAATATTCAGCCAAAGCTGCTCCTGTATAAGGGGCAAG
GTATTGTAATGTAGCCGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGT

>trans_s_12971AJ236706|Humulus lupulus Hl7SL-1 gene for signal recognition particle

ACTCCACTTTAAGCGCCGAGCTCGGTAATGTGAGCTTGTAATCCAAATGGAGGCATTAAAGTGGTTGGAAGC
GGGCTCAGCCCTTCTGGTAGGGTCTCTTAGGGAAGATTTACTAGCCCGCCATTCCAAGTAGGAAGTTGGGCC
TTTGGCTTTGGGCGAAGGCCGAGAGTCAATTGCCCTTAGAGTGGGGGACACCGCGTGAGGCTGGTCTCACAG
AGCAGCGTTACCACCCGTCCTACTGCCCGGCCAAGGAAACCCGGGTAA

>trans_s_12972DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

GTTCCGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAATTTGCTTTAGCCAATGATCCAAGCAGAGTAATA
ATAGGAACTAGTGATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAAATGAATTTTCTAACATCTGAGTCCATAC
CACTGAAGTATTTAATCGAACACTTGAAATATAGCCCAAAAAGTCAAGAGAACGCGCATATGGGACAGCGCG
CGCTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTA

>trans_s_12973AF034618|Spinacia oleracea cytosolic heat shock 70 protein (HSC70-1) gene, complete cds

GGAGTGTTCGTCATTGGAAAGGTTACCCAATAACAATGCCTTCAGTTTCCCTGAACTTAACGAGGACCCCAT
TCACAAAAGGAAACAGAACCCTGCTTTTAAATCAGGTATCATGTAGCATCATTTACTGAACCTTTAGCAACTAG
CTTTACAGAGGTTACCCAATAACAATGCATATAATGTCCCTGAAGTTTACGAGAGCACTGTTCACTCAAGGCA
ACAGAGCCCTGCTTTATCATCAGGTTATTTGTCTCTTTCCCCC

>trans_s_12974NM_104833|Arabidopsis thaliana LHCA3; chlorophyll binding (LHCA3) mRNA,
complete cds

TCACCAACCCTCTCTGGAAAAACAAAGCCTAACATATGGCCACTCAGGCTCTTGTTTCTTCTTTAACCTCTT
CAGTGGGTGCTGCCAGACAGAGATTAGGGGCAAAACCGTCTTTGGATCTCCAGGAAATCAGCTTCTTTGT
AGTTAGAGCTGGAGCCACTCTCCTGTTAAGCAAGGAGCAGACAGGCAACTGTGGTTTGCTTCAAAACAAAG
TCTTACTTACTTGGATGGAAGTTTGCCAGGCGATTTTGGGTTTAAC

>trans_s_12975AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

CTATTACTTATTCAACAAATTCGATTGATTGATACGAGTGGATTTTCTGTTACGATAAAATTGACGAAAGAATAG
CTAGGCCAATAGCTGCTTCAGCGGCTGCAATAGCTATAACAAAAATTGAGAAAATATTTTTTTTATATGGCGA
CTATCAAAAAAATCAGAAAATGTTACGAAATTCATATCGGTCATGAACTCCCAGGGAGCCCCAACACAGGGG
TAGTACAGGAATATTACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTTTCG

>trans_s_12976XM_001694888|Chlamydomonas reinhardtii copper responsive regulator 1 (CRR1)
mRNA, complete cds

TCTCTCTCTCCCTCTCTCTTCTACCCCTTACTTAACCCAACCCCTCTGTTTCCTCCTCTTTCACAACAATCACTTTT
CACCATGATCTCTTTGAACAGAACCCTTCTGACCCAGATGGGTGTTTCTGGAGCTTGCTCTACTCCCTCCG
GCACTGGGAACCGGCGCCCGATGGCTCTCAAGGTGGTGTCCATGGATTCCAATGGTCGAGTTAACAGATAGG
ATAAAGACACCTCAACAAGAGGTGAGTGACACACCAATTG

>trans_s_12977AJ430979|Viburnum rhytidophyllum chloroplast tRNA-Leu gene for transfer RNA-
Leu and partial tRNA-Phe gene for transfer RNA-Phe

GATAGACAAGAAATCCAATAGGAGGAAAACAGGGGGACCGAGAGGAATCGGTATTCTAATGACTTGAGTGG
TTCCAGTATAATACAAATGAAAGAAAACGGGGAAGGACATCATAATGCGATACTAATCTTAAAGAGGGGGGA
TATGGCGAAATCGGTAGACGCTACGGACTTAAATCCGTCGACTTTTAAATCGTGAGGGTTCAAGTCCCTCT
ATCCCCACCACGCCTTGGCCGTACAGCTCGGAGAATGTGTCTCCCCCCC

>trans_s_12978AB435244|Cucurbita maxima CmPhoH1 mRNA for alpha-1,4-glucan phosphorylase H
isozyme, complete cds

AGTATGTCGAGTGGGAATTCCAATGGTGCTACTGTGGTTTCCACTGGTTCTACGAAAATTCCTGCAGTTGCGC
ATCCCTTAGCGGAAGAACCGGATGAGATTGCGTCTAATATCAAATATCATGCTGCTTACAGTCCTCATTCTCT
CTCTTCAAGTTCGAGCCTGAGCAAGCGTATTATTCGACTGCTGATAGCGTTCGCGATCGGCTTATACAACAATG
GAATGAGACCTACTTGCAATTATCACAAGGGAACAAATCCAATCT

>trans_s_12979EF416029|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 036BT34M23-153.6 genomic
sequence

GAGAGGATAGCACAATCGGAGGATTCTCTCCGAAGAGTTATGTACTTGAAGTGTGGGGCCAAGGGTGATTG
GCTTCTAGGTCACTTTTGGTGACATGTAAAGAGATCTGGTCGGCGATCGTTGATCGACGATCGGATTTGGAGC

TACTCGAGCGAGATGGAATTCAAGGTATTTGATATGGGATTACCGATGAAGATCGAGGGATTGATCGATAA
CCTTGAAAGTTATTTGGAAAAATCGCTATGTAGCTTTGAGATAATTGT

>trans_s_12980HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,
complete sequence

AACTCGGGACCCTAAACACGGCGGACTTAAAAAGCCACCTACAGACGCTTTACGCCCAATCATTCCGGATAAC
GCTTGCATCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGATGCTTATTTCCAGATACCGTCATTGC
TTCTTCTCCGGGAAAAGAAGTTCACGACCCGTAGGCCTTCTACCTCCACGCGGCATTGCTCCGTCAGGCTTTCG
CCATTGCGGAAAATTCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCT

>trans_s_12981AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

AAGTTGCAAATAATATCCAAATACCAAATTTTCCCCTATATACCCTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGGAA
GATCAAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCAATAATTCCGAATTTAACCTTTAAAAAGAG
CACGTACAGTACTGGGTGTGGGCATCTAACCTGGGGCCACACCTGACAACCTCCCTCTAAGGCGGAACGCTC
CCCTACCGATGCATTTTGACATCCACAGCTTCGGCAGATCGC

>trans_s_12982X52322|A.thaliana rRNA repeat unit, most frequent IGR type

AATTTCTTCACTTTGACATTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCGGTTCTTCATCGATGCGAGA
GCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTTCTCTTCTTTTCTGAGTGCAAGATAAATTTACACGG
AGCTGTTTAATACTGGCAGATTTCAAATCAATTTATGCTTCGGAAACATCTGTGAGTGCTGTTAGGATCTGAGA
GAGTTCACCAAGTAAGAAGCAACAACAGTCCGTTTTTTAATT

>trans_s_12983XM_002877177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPase subunit 9, mRNA

ATCGGGTGTTTTACGTCGATCGCTAGTGCCCGCTTTGGGAGATGAATGAAGAAGAAGGAAGAAGTGAGGCT
CAAAGAATGATCGATGAACAAGGGCTCGACTGAAAGGAGAGGGAGAGGCTCAATGAAATATGAGTTCGTTT
GTCATTCCACTAGAAAAAAGGATTCCACATTCAAGAGGACCGGACAATAGCCTGAGTCGAGTAATGGGAAG
CGGGCTAGTCCCCGAAAATGCTCGTTCCTCTGACAAAACCTTCTTAGTCG

>trans_s_12984NM_123364|Arabidopsis thaliana AATP1 (AAA-ATPase 1); ATP binding / ATPase/
nucleoside-triphosphatase/ nucleotide binding (AATP1) mRNA, complete cds

CATACAGATCTCAATCCCATGAATTTGCTGGTGAACGTCTCAAACGTAGTGAAGCTTTCATCGCAATGAAATCG
TATCTCAGCAAGAATTCATCCAACACAGCCAAAAGACTCAAAGCAATGGTTCTGGTGGAAGATGGAGTTACAG
CCATACTATGTGGAGTCACATAGTGTGAGCACCTGCAACATTTGACACCCCTAGCAATGGAAGCAGAGAA
AAAGCAAGAGATTATGGATGATTTGCAGACCTTTGTGGATGACC

>trans_s_12985AY969308|Embryophyte environmental sample isolate dfmo4345.101 18S ribosomal
RNA gene, partial sequence

GAGAAAGATTGAGAGGGTAATCGTACACGTTCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTACCCAATCCTGAC
ACGGGGAGGTAGTGACACGCCGCCACATACGGGCTCTTCGAGTCTGGTAATTGGAATGAGTACAATCTAA
ATCCCTTAACGAGGATCAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGCGT
ATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGACCTTGTGGT

>trans_s_12986M91374|Cucumis sativus peroxidase mRNA, complete cds

TGGGTCCTCAAGGGATTATTATTATAGAAAGGAGATGGAAGAGAGAAACAAACATAAAAGGGAAGAGTACA
AAAATTACATAACATCATGCCCTGTTTCACCTCCCAAGTCATTAACCCTCCTGCAGTTTCTTCTAATTTCCCCTTG
GTTTCCAGTTAATGGTTTAATGTTCCCATCTTAATCATCGACAACCGAAATTGTCTAAAGAAAGTTTCTTGCT
CGACGCCATACGTCTAACAATTTCTACTGTTTCTCCAGCTA

>trans_s_12987HM363072|Chasmanthium latifolium cytochrome b6/f complex subunit IV (petD)
gene, partial cds; chloroplast

ATTTACTGATTTTTAGTAGTCATTCTAGGTACTATTGCATGTAACGTGGGCTTAGCGGTTCTAGAACCATCAAT
GATTGGTGAACCCGCAGATCCATTGCAACTCCTTTGGAAATATTGCCGGAATGGTATTCTTTCCCGTATTTC
AAATACTTCGTACAGTGCCACATAAGTTATTGGGTGTTCTGGGCCGTTGGGAATGCAATTATTCGGCGGCCA
GTGTGGAATCCTTTCAGACGACTTAAATACGCGACAGGTGAG

>trans_s_12988AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

CATTCATGCAAATAATATCCAAATACCAAATTTTCCCCCTATATACCCTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGG
AAGATCAAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCAATAATTCCGAATTTAACCTTTTAAAAG
AGCACGTACAACGTCCCCACACCCGTAGATTGGGACCCCGGTGTGGAGACAACCTCCCTCTAAGGCGGAACG
CTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCAGATC

>trans_s_12989AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

AGGGGATGTGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGC
GGGGTCCGCAGGACCTCCCCTACAGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGT
GTGGTGCTCCGTGAATGAAAGAGGAGATGATGGTAGAGGTGGAGATAAGAAAAGGCTAATGACGAACAA
GCCAACTGCACCTGTTCAATTCATAGTGATTTTCCATCATTGGGCAA

>trans_s_12990GQ998452|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 NADH-
plastoquinone oxidoreductase subunit 4L protein (ndhE) gene, complete cds; chloroplast

CGAGTGCCTCTCACGCCCCGGTCGTACTCATAACCGCATCAGGTTATGTGTCTTGAGCTTATACTGAATGCAGTT
AATATGAATTTTCGTAACATTTTCTGATTTTTTTGATAGTCGCCATATAAAAAAAATATTTTCTGTATTTTTTTA
TAGCTATTGCAGCCGCTGAAGCAGCTATTGGCCTAGCTATTCTTCGTCAATTTATCGTAACAGAAAATCCACT
CGTATCAATCAATCGAATTTGTTGAATAAGTAATAGGGCG

>trans_s_12991NM_001056658|Oryza sativa Japonica Group Os03g0352400 (Os03g0352400)
mRNA, complete cds

TCCGTGAAGAGCTTGAAAAACGGATGTCAAGTAGCTATAATGTGATTTTGAAGGAAAGGAAGCTGCCCCTTTC
CCTGTTGAATGACCATCAGAAGCAATCCAGAGTCCATCTTCTCGACACAGAACCTTTTCAGGATGCATTTGGGC
CTAAGGGGAAGAGAAAGCGACCAAAGCTTTTGGCTGCGGACTATGAGTCATTACTTCAGAAGGCTGACAAGT
CCCATGATGACTTTGAGGAAAAGTATGCCGAAAATGAATGACCG

>trans_s_12992GQ998803|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C cytochrome c heme attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

TATTTGTTGCGTATGTAAATAAATTGCAAATATCGTCCAAGTAATAAATGCCCAAGTTTCCTTTGGGTCCCAAT
TCCAATACGATCCCCATGTCTCATTAGCCCATACTGCCCTGAAAGAATACCTATGCTTAAAAAGATAAACCTT

AGACTAATAATACGATAACTCCAATGATCTAATCACCAGGCACCCTGCCACAAATGTCCGGCGGCACTCAATCC
GCATCGGTCCATGCCCCAAGTCGATTGGCGGACCGGCTCA

>trans_s_12993AM889967| *Aglaia korthalsii* chloroplast partial ycf2 gene for ycf2 protein

AAATAGTTAATATATTCAAGATAATTACGTATTTACAAAATACCGTCTCAATTCATCCTATTTTCATCAGATCCGG
GATGTGATATGGTTCCGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTTCCAATAAGATTTTCATTCTTGAACAAAAATCC
ATTTATTTATTTATTTTCATCTATTCCATGACCGGAACAGGAGGGGATACACGTTACACCACGATTTTGAATCAG
AAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATAGTGAGATAGT

>trans_s_12994EF590391| *Corylus avellana* cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)
gene, partial sequence; chloroplast

CAGTGAGGAGAAAGGGAGATGGTTCATGTGCTCTGATTCAAATAAACTAAGCTTGAGAGGAGCACTACCA
AAGTTTTTCAAAGAAGGGGTTATCCTGACGTAGGTATGCTTCTGACCTAGATCAACTTAAGTTAAATGGAATCT
CTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAACTTCATACACCTTAAAGTTGTTTCATAAGATAGGACC
TTTAAGTTTCAGCCTTGCGACCATACTCCCCCGGAACCCAAA

>trans_s_12995X54738| *L.esculentum* mitochondrion coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

AACGGTCTTGATAAGGTGTGAGTCCTCCTATGGTGAACAAAAAGATGAACCCTACAGCAAATAACATGGGTG
TTTTGTATTATACGAACCCCCCACATGGTAGCGATCCAACTAAAGATTTTGATTCCAGTGGGGACTGCTATGA
TCATGGTAGCAGCGGTGAAGTAGCTAAGCCCACAGTAAACATATGATGAGCCCAACAAGAAATCCAAGAAC
ACCTATACTGATCATGGCATAAACCATGCCTAGATACCCGAAAAC

>trans_s_12996AP009372| *Crucihimalaya wallichii* chloroplast DNA, complete sequence

TCCACCGTAAGCCTTTCTTCGTTTGAAGAAATGGCAAGATAATTTGTGTATACCAATGGAGGAAATAAATAAA
AAATGTGGAAAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAACACTGTAGACCAATTGAAAGGGATGTAGCGCAGCTT
GGTAGCGCGTTTGTGTTGGGTACAAAATGTCACGGGTCCCGCGGGCGAGTTCTATCGGGTAAAGCCAATGAT
TAGAGGCATCGGGGGCGCAACGCCCTCGACCTATTCTCAAACCTTA

>trans_s_12997GQ997953| *Berberidopsis corallina* voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6
protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

CAGTATGAATGTGTACGATGGCTTAATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAGTCA
AGAGACCTTTTTTTGTAGTTCTAATATTTGTTCTAATATTTTGAATCTATTTTCATATATTCTGTGCTCCAGATA
CTAGCCTAGACTGAATATCCAACGAGATAAAATCATCTTCATCAAGATGACCGACTTCTTCTGTGCTATCCAT
AGGATCAATTCTAACAAGTCACACACTCATATTCTTAA

>trans_s_12998DQ108486| *Corchorus olitorius* SSR marker J-83-M13F genomic sequence

GGGGAGCACACATAAAAAACACCAGCATAGTATAATCAGCGTCGATCATTTGGGGAAAGTGTATCAGTTCCAT
TGTTTAACCTCGGAAGCGCGGATCCCAATACTAGACCATTGGTCCGCAGGACCTCCCCTACAGTATCGTCACC
GCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTCTTTTGGTTATTGCTCCTTTACTTTCAAGAACTCG
TATACACTATCTCACTCCTGAGGCGAACGGTCGCTCGTTCCT

>trans_s_12999Novel Gene

CTACGGACGGACCTTGAATCCATATTCATCTGATAAGGATCAAAGGAGCGGTTAGGAGTTGAATGAAAGCGA
AAGTCCTTATCCTTCAAATTCAATGAAAAGGAGTGCAACGAAGAAAATTCCACTAACCCGTCATCTAGACCTCT
TATAATTCTACGGCTCCTCTCCTATATTGAAAACACGAGTACCTTCGCTCTGAACCTTCCTAACCTCAGTCGAG
TGGCTTCGCTCCTCTCCTCTATCCTCTCTATCCTCGCCTT

>trans_s_13000FN421383|Potentilla thurberi partial external transcribed spacer and partial 18S
rRNA gene, specimen voucher GB:Topel M. MA138

GTAGAAGCGGTTGTCATTGCGGGCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTCGGTGGCATG
ATAAGTCCCTCGAAACGTGTTGCCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGATTGCTCCAATG
CCACCCAATACCAATGCATGCATAAATCACAGCGAGGTGTAGGAATGCTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTC
ATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATCGTACACATTC

>trans_s_13001NM_001068395|Oryza sativa Japonica Group Os08g0431100 (Os08g0431100)
mRNA, partial cds

CAAAGCTCAAGTCTCGCAGGGAGGTCGTTGAATGGTTAAGCTCTGTTGTTTCTGATTCCCAACGTAAAACATC
ACAACCATCTGATCGTATGATGGACACAGAAGGTGAAGATGCTTGCCCGTCCAACAGTGGATCTAAGAAGGA
TGTTCAACATATAAAATTGGGTCAATATACCAGAGATTTTTTCATGGCTTGGATGCCCTTGGACTTGTAAGTCC
CTATACCCACAGCGAACGATGGACTAATACCGCCACAC

>trans_s_13002M75722|Alnus incana chloroplast 23S ribosomal RNA (23S rRNA) gene

CCGCGAAAGATGGTTATCGGTTCAAGAACGTAAGGTGCCCTGCTTTTTCAGGGTAAGAAGGGGTAGAGAAA
ATACCTCGAGCCAATGTTTCGAGTACCAGGCGCTACGGCGCTGAAGTAACCCATGCCATACTCCCAGGAAAAGC
TCGAACGACCTTCAACAAGGAAGCTCCTTTTTACACTCTTGGTCCTTTGACTACAGATGTAGCCCCTGGATATG
ACCACATTACCTCTGCCATGTTCTGACGGTTATACAA

>trans_s_13003EU314657|Agrostemma githago ribosomal protein L20 (rpl20) gene, complete cds;
rps12 gene, partial cds; and ClpP (clpP) gene, exons 2, 3 and partial cds; chloroplast

GATAAACCAACTCATTATGTATACAATTCAACATGCCAACTATTAAACAACCTATTAGAAACACAAGACAGCCA
ATCAGAAATGTCACCAAATCGCCCGCCTTCGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATA
CTATCACCCCCAGAACCATGGACCGGGACAAAAGAAAGTACAAAATTTTCCCGTATCAGTTATAAGTACAGT
GAATAGGATAGAATAGGCAAGGAGGGCTTACCTTGA

>trans_s_13004XM_002888293|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytochrome b6/f complex subunit
IV, mRNA

TCTTTTATATATTTTCCAGTAGTCATTCTAGGTACTATTGCATGTAACGTGGGCTTAGCGGTTCTAGAACCATC
AATGATTGGTGAACCCGAGATCCATTTGCAACTCCTTTGGAAATATTGCCGGAATGGTATTTCTTTCCCGTAT
TTCAAATACTTCGTACAGTGCCACATAAGTTATTGGGTGTTCTTTAATGGTTTCCGTACCGGCGGGATTATTA
ACTGTACCATTGGGTTGACCGTGTGGCGGCCCT

>trans_s_13005AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

TGGGCTGATATTATATTGGCACGATTAGAACCATACAGGACCGCGCATGAACGTAATGCTCACAACCTCCCTCT
AGACCTAGCTGCTGTTGAAGTTCCATCTATCAATGACCCCTCAAGAGTGAGGCTGTGCGCATCTGGAGGTCCC

TGCCCTTCTACATAACCAATTTCTGTTTTCTCAAGAGGATTGCCGGCGACTCATAGGCAGTGGCTTGGTTAAG
GGAACCCACCGGAGCCGTAGCGAAAGCGAGTCTTC

>trans_s_13006U44386|Solanum lycopersicum heat shock protein (TFHS1) mRNA, complete cds

AGGAAAACAAATAACGTTTCAAGAATCTTTCTCCGCTAGCAGCGTTTTCATATCCAATGGCTCGCTCTTTCTCC
AACGTTAAGATCCTCTCCGCTGTTGTTTCCGATGGATTCTCCTCCCTTCTCACCAGTCGTGTGGCGTATTATTAT
TATTTGTCTCAAGGAGTTGCGTCGAGTGCGGTGAAAGGAGCAGGTGTTGCGGCGGCGAGAGTAGTCTCTAAT
GGTAAGCGCTCTAATCTCTATGCTAGCAGGAGGT

>trans_s_13007AF123772|Asarum canadense ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds;
ribosomal protein S7 (rps7) gene, complete cds; and NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) gene,
chloroplast genes encoding chloroplast proteins, partial cds

GTGCGGGTCGGAACCTACCCGACAAGGAATTCGCTACCTTAGGACCGTTATAGTTACGAAGGAAAATACGTA
TGGCATCGCCACTCCCTTTGGCAGCATCCACTAATTCGGAACCTAAAAACAAAGCCATATTTGACCCGGACGT
TTTCGGGATGCCCTAATAACCAACGAATGGCAAGTGCTTTTCCTGTGTGGATCCTATTTCAATGGGAACCTG
ATGAGTTGATCCGCCTACACGTCTTGCCTTTACT

>trans_s_13008U93166|Prunus armeniaca cysteine protease mRNA, complete cds

AATGCTACAGATTGGTCCGATCACATTGCCATCGATTAATCTGATCTCATCCCATTGGGTTTCGTCTTCTTTCCA
AATCCGTGGAGAGAAGAACAGTGAGAGAGTAAGAATCTGCAACAATGGCTTCACGGCTGTTCTTTGTTTCCT
CTGTTCTTTTGCTACTTTCCTGTGCAGTTGCCGGATCTGTTTTCGATGATTCCAATCCCATTCTGTCTGGTCTCTGA
CCGTCTTCGTGAATTGGACGTCTGAAAAACC

>trans_s_13009Novel Gene

CAGTCGAGCCTCAAATTCTCAATATTCTTCTAGTTCCATCTTTGACTTAGCCCTTATCAATGAGACAATATTAGT
GGAATGAACAAGTCTCCGTTTCAGACTCCTAACGGAGCAGTCTCGTCTGAACTTTTTTTAGCCTTTATTCGC
AAATTCTTTGCGCCTTGTTTCATTGACTTCTTGACTGATTCTTTCTTGGGATCGGATCGGGATCCTATATTCCTA
GTTAGAGGATAAAGATAGATAATAGGTAGGG

>trans_s_13010AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

TGGGCTGATATTATATTGGCACGATTAGAACCATACAGGACCGCGCATGAACGTAATGCTCACAACTTCCCTCT
AGACCTCTCTGCTGTTGAAGTTCCATCTATGGCACTATTCTGAAGACAGAATCACATATGCTCAAGAACTTTCA
TTTCCTCGTTATTGGTTAAAGAACAAAAGAGTTCTCCTAACCCGGCGACTCATAGGCAGTGGCTTGGTTAAGG
GAACCCACCGGAGCCGTAGCGAAAGCGAGTCTTC

>trans_s_13011EF010876|Harpanthus flotovianus NADH dehydrogenase subunit 7 (nad7) gene,
exon 1 and partial cds

AATTTTAAATCATTTACTTGCTTTAACTACTCATGCTATGGATGTGGGAGCATTAACTCCGTTCTGTGGGCTTT
TGAGGAGCGGGAGAAATTATTTGAATTCTATGAAAGAGTCTCGGGAGCCAGGATGCATGCCAGTTTCATACG
ACCAGGTGGAGTGGCACAAAGATCGCCTCTTGGCTTATGTGCGAGATATTGATTCCTTCACACAACACGGGTAG
GAGATGCGATCATCGCCGAGGAGAGCACCGGTAA

>trans_s_13012AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete sequence

TTCGATTATCTAATAAATCACTTAACACTCCCTTTCCAAAAAAGAATTGATGGAGGAGAGAGAGGGATTCTGAACCTCGATAGTTCTTTGTTTCGAACTAACCCGGTTTTCAAGACCGGAGCTATCAACCACTCGGCCATCTCTCCGAAAGATAATTTCTATTTTATTTATATTCCATCCCATCGAATAGAAGATTGACATATAAGTTGCTACCATATGAGTCTATACTATAGACATTCGCGGAATACAGG

>trans_s_13013AY110611|*Zea mays* CL773_-1 mRNA sequence

TAACAGAAAGAATGCTGAGGATGCATTACAGGGACTGAATGGAACAGTTATAGGGAAGCAAAGTTCGTCTTTCTTGGGGCCGAAGTACAGGGAACAAGCAGTGGAGAGGTGATTCAAATAACCAATGGAATGGTGGACGTTATGGTGGGCAAAGCTATGGTGGATATGGTGGCTATTACTCTGTACCACAGCATCAGGACCCAAACATTCATCCACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCAGTGCCGTGGAGTA

>trans_s_13014FR696365|*Hordeum vulgare* mRNA for vacuolar processing enzyme 3 (vpe3 gene)

ACACAGTGTAATCCTTGGGGACTCCATGATAAACATCAGAACCCCTTTGGATGGTTGATGATGACCCAGGTCTTGGGTTCTCTGGATTGAACGCAATGTCATCGTACATGAAGACTATGATGTTCTCATCTTTTAGCCCGTTTTTCCGCAACAATTGATAAGCATGGCAGATATCAGCATGGTGCCTGTAATTCCAGTATCCATTAGAACCGGCGATCAAAACAGCCCATCTCGTCCCCACGGAGTCTTCGTCTG

>trans_s_13015X60794|*B.campestris* mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

GTCCCGGGACTGGGAGGCAATCGAAGCTCATTGAATAAGGACACAGGTGAATATGGAGAAAGAAAAAGCTCAGATGAGGGACGGAAGTAGCTCGACCATAGGAAGAGGGACGGCTTCCACTCAAAGTTCTGTCTCCGGACCGGTAGGAATAAGAGAAAGAAAAGTCCAGGTTGGTTGGTGAGCCTAGTGATAGGAACTATCTAGGACCGGTAGACTTGAAGTTAGAAGCAGCCACCCTTGAAAGAGGTA

>trans_s_13016HM363078|*Chasmanthium latifolium* photosystem I subunit VII (psaC) gene, complete cds; chloroplast

GAGGGCAGCGTTCCAAAATAAGCGTAAAATATAAGCAAATAGCTTCGGCTCCACGAACGGAAGACTGTGTTGGTTGTAAGAGATGTGAATCTGCCTGTCCGACAGATTTTTTGAGTGTTGCGGGGGCGGGCGTTACGTTTTGTTGAGCTTCGTACCCAGATCAGGCGGTGCATGGAGAGCCCCTAAAAGGTCCGCACGGGTCTGGGAGGGGGGCAATCACCCCCAGATGTAGATGGTCTGTTTCAAGGGGAGC

>trans_s_13017EF205595|*Mangifera indica* large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

TTCTTATTCTTAAGCAAGTCCCCGAGAGGGCTTGGCTTAGTTGATCCATGATTTATGTTTCGTCTTTCGTTTCGTTTCTGTTTGTTCGAGAAATATATCGATCAATCCGATTCTTCTTTTCTATTGATTCTTTCCGATCGAGATGTATGGATCCATGGGCCTATGTGTCTATATAGATCCTGTTTCATGGATTAACGAAAATGTGCAAAGCTTCGCCTGCTCTGCCATTCTATGAGTCTCTTCCTT

>trans_s_13018GQ998281|*Ficus* sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 ribosomal protein S3 (rps3) gene, complete cds; chloroplast

AACCCGTCCTTGTCTTGTCCACTCGACACGTGCAATTTCTTTCCGTCTATACGTCCGGCAATTTGTAATTGAAT
TCCCTTTGTACCCGCCTGTTCAAGTTAATTCAATAGCTTTTTTCATTGCTTTGCGAAATGAACTCTATTCTTTAAT
ACAGGCCGATATTTATCTGCGAGAATATTAGGGTGTCCATAAGGGTTTCCTATTCTTGTAATAGCAATGTTAAG
TTTTCGGTTCCCAGAATTTAATTCTTTT

>trans_s_13019DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K
(matK) gene, partial cds; chloroplast

CGAGGGACAACTTCTATCCTTCGGGTCCCTAAAATTTCCAGATGGAGGGGATAGGGTATTAATACATCTGAC
ACATAATTTAAATGTGGGAATTTATCCTCTAAAAAAGGAAATATTGAATGACTTGATCGTAAATTATAAGATTT
TGCGATTTCTTCTTTTAAGGAAGATACTAATCGTAGGGAAAATGGAATTTCCACAATGACTGCACTGGCAT
AGTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCG

>trans_s_13020EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TGCTCTTCATAGACAACTTGGGATTTGCTATCCCAGGTAAGATCGTTTCAGGATCATGCGATCCTTTTCTATCA
GATAGGAAGGGCTGTTGCACAAAATGTACTTCTAAGTAATTGCTCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGA
AGAAATCATGTAACGAAGGGGGTTCTTATTTGTACAACTGGTACTTCGAACTTCAAACGAGCATGAAGAAATT
AATGATACTTCGAATACATCAGTGTAGCGCG

>trans_s_13021AY042583|Ercilla volubilis maturase K (matK) gene, partial cds

AAATGTCTGGAGGCTTCTCTAAACACAGAATCTTTTAATAGTAATATAAATCAGAAAGCCATTAATCACCACGA
AGCCTTTGACGAAGAACTTCTGAATTGAAGAGGCACGGAGAAGCTTTTGAGTTGAAGAGGGGAAGAACCTTT
TTCAGTAAATGCTGCAGATATGAATGGAATGGATTGCACCTCAACCACTCTTCTGAGTGCTTTTGTACTCTCA
CTAACCT

>trans_s_13022AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

AATAATATTAGTATTTTAGTTATTTTCAAATAGGATTTTTCTTGTTTTAGGGAACTCATTTATATCATGCTTC
AAACGTTACCGCAAATGGGGTTTGCTAATCTTTTCGAAATCCGAAGATAAAAAGTCCCATGGAACCGAAC
TCCTGGACATGGGGCAATTGTCACTGCTTATGGACCCGAACCTGGGTGATCTATCCATGACCAGGATGAAGCT
TGGGT

>trans_s_13023GQ998746|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 cytochrome
b6/f complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

AGATTACCATTCGCGAGATTAGAGATACGATCGTCCTCCATGCTATTTTACCTAATACCCTCATTGTTTTTTGG
TCCGGGATTGGACCGTGTAGATATATGTCTTTTATCTGCCACATTGGGATTCACAACAAAATGTGTCTTTATTC
CAACCACCGCGAAAGCTCCATACAGAGAACGAGCTGGTTCGCTTGAAGAGAAGAGGGGAACGTCGACTCAG
GTC

>trans_s_13024EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial
cds; chloroplast

AGCAACTGTTTCATCACCATTATGGCGAAATGCTTTACGAAGGAGATACTTTAGTTACATTTATATATGAAAAAT
CACGATCTGGTGATATAACGCAGGGTCTTCCAAAAGTCGAACAAGTATTAGAAGTGC GTTCGATTGATTCAAT
ATCGATGAGCCTAGAAAAGAGAATTGAGGGTTGGAACGAGCGTATAACAAGAATTCTTGATCCATCCCGAAC
TTGGT

>trans_s_13025GQ504457|Ficus insipida isolate Fsp040 ATP synthase CF1 alpha subunit (atpA) gene, partial cds; and ATP synthase CF0 subunit I-like (atpF) gene, partial sequence; chloroplast

AAAGAAAAAAAAATAATGCCTACAGTAGAAGGACTAATCAGTTAGTTATTTCTTTCATCGTCCCAAACATGCCA
ATATTGATGTCAGCAACGTACGGGTGTAACGTTGTCCAAACAACCTATTGAGAGTTCCTAGAGCTCCTTGTA
GGCTTGTGGAAACCTGTTGTCGTAAGTGGGAACTTCGGAGGGAACAGCTACTAGACGGTTCGATTAGTC
TTT

>trans_s_13026AY968404|Coccinia sessilifolia 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTCAAATCATGCCTTTGGGTGGTTTAGTCTACAGTGATATTCTACGGTGCGACAGGGTCCGAGCGCAACGGG
GCTCTACCCCTCTAGGGCGCCCCCTCCAGGGGACTTGTGCCCCGTCCGCCGCTGAGGACGCTTCTCCAGACT
ACAATTCGGACGTCGAGGACACCTAGTTCTCAAGCTGGGCTCTCCCGGTTGCTCGCCGTTACTAGGGGAAA
CCTT

>trans_s_13027NM_180601|Arabidopsis thaliana CER1 (ECERIFERUM 1); octadecanal decarbonylase (CER1) mRNA, complete cds

AGGGAGATTTAAGTTATATTCTTATATTTCCATTTCTTTTATTGAGAATGATTCACAATCAGATTTGGATTTCTCT
CTCTCGTTACCAAACGGCTAAAGGAACTAAAAGGATTGTTGATAAACCCATTGAGTTCGAACAAGTTGATAGA
GAAAGTTCATGGGATGACCAAATTTTGTTCATGGGCTGTTGTTTGTCTGGGGAGGATGGTGGTGGAACCTTA
A

>trans_s_13028AY968420|Schizopepon bryoniifolius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCAGCTTCCTTGC GCGAAAAGGGTTTACTCACCCGTTAACTCGCACACATGTCAGACTCCTTGGTCCGTGTTTC
AAGACGGGTGCAATGGGGAGCCACAGGCCGATGCCAGGAGCGCGCAGATGCCGAAGCCCGCCAGAAGGC
GCGCGCTGCCAGCCACGATCGTGACGGCGACGTCTCCACTTTATGCCACCCTTAGACCCGCATCCGGCGGCA
GAGTTC

>trans_s_13029XM_002869123|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata vacuolar ATP synthase subunit H family protein, mRNA

ATATATCACGTAAAATGCTAACAAATACCCGAACATATGCTGGACCATCATCATCCAACAGCTGTGCCCTGTAA
CTTTCTGGTCTGTTATCATAACGCCTTAACAACCTGAAGGCTTGTCCACTGATAAGTTTAGTAGACATGTATGTC
TCCCATGGAATGTCCCTTGTAAGAACCTGCTCAGTGCTAAGCTCGGCCTGGTCAATTGCCATCGCAACTCCAG

>trans_s_13030AM180178|Amphithalea flava chloroplast partial rbcL gene for ribulose 1,5 biphosphate carboxylase-oxygenase, specimen voucher Schutte 652 (private collection of AL Schutte)

GAATAAGAAGGTCCCAAAATGTTTCCAAAAATAACACACCTGGTGCCGTAGCTAACCGAGTAGCTCTAGAAGC
ATGTGTACAAGCTCGTAGCAGAAAGTACAGCTCCATCTACAGAAACGGCAGGGCCGCTTACAGGGCTAGTAA
ATGGAGTCCTGAACTAGCTGCTGCTGTGAAGTATGGAAGGAGATCAAATTTGATAAACTCCGTTACCTATGT
TAAAC

>trans_s_13031Novel Gene

TTTTCGTTGTACCCCCAACAGGGCAAGGGGCAAGAGTTGTACCCATAGGGAATTCTTCTGTTTCTCAGTATGAT
CTCTATCATCATCTCTATTCCCTTTATCAATTCTCCTATCCAACCTAGGTCTATGAATTTCTCTATCAATCCATTA
CCGGTCCGTGGTAGCTTAATTTACCCATGAGGTTCCAAGATTTGATCCTTAATTGACCTAGGAGTTGTTCCC

>trans_s_13032HM369505|Malus pumila calmodulin (CaM) mRNA, complete cds

GACAAGGACGGCGATGGCTGTATCACCACCAAGGAGCTTGGGACTGTGATGAGGTCACCTTGCCAAAATCCA
ACTGAAGCTGAATTGCAAGACATGATCAATGAGGTGGATGCTGATGGAAATGGAACAATCGACTTTCAGAG
TTCCTAAACCTCATGGCGAGGAAGATGAAGGATACGGACTCAGAGGAAGAGTTGAACTCCTACGGAATGTGT
GGAGATA

>trans_s_13033Novel Gene

GTCGCCCCCTAAGCTGAAGGGGACAAAACGAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCT
TGGAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCCGAGCGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTC
TACGCTGTGGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGCAGTGGTCACTGA
ATGTC

>trans_s_13034FJ436983|Triticum aestivum cultivar Chinese Spring hexose carrier, LR34,
cytochrome P450, lectin receptor kinases, and cytochrome P450 genes, complete cds

AGGGGAAATATCATAGTAAATCAGTCGAGTTATTTTCATAATGCACTCCTTCGTCGAACCTTTACATAAGCTACG
CCCTTCTTCATTGACTCCTTATCAGTCGACTTTCTTCGAACCGGTCCGTGGTAGCTTAATTACGAGTTATTTTCAT
AACCTAGGACGGACCCTTATTTAAGAAATCCTCCTTATTCATTGAGGACCTTTGTTTTGGAGGGGTCAAGACGA

>trans_s_13035AY100912|Bonamia thunbergiana PsbE (psbE) gene, partial cds; PsbF (psbF) and
PsbL (psbL) genes, complete cds; and PsbJ (psbJ) gene, partial cds; chloroplast genes for chloroplast
products

TTAAAGAGGAAAACATTCTTCTGAGAATTATCTTATCCCATTTCGGAAGGATATCATCTCATAATTATCTATGACT
GTTTCTGAGAGAGATGTGACCACTTGATGAAATGGGGAGGGGAAGTGGGACAAATGGCCGAGACTACTGGAA
GGATTCTCTTTGGATAATCGGTACTGTAAGTGGTATTCTTGTGATCGGTTTAGTTGGTATTTTCTTTATGGGT
GA

>trans_s_13036FJ014471|Camellia sinensis senescence-related protein mRNA, complete cds

TCCGAACAAGTTCTCCTACAGATTCCCGGCGCCATACTCCATTTAATCGAAAGACAGAACAGTATCGAACTCGC
TTCCGGTGAGTTCTCCATCGTGGGTCTCATCAAGGTAACAACGTCGTCGCTGTACTCGCTCGTATTGGGGATC
AAGTTCAATGGCCATTAGCTAAAGACGAACCCGCTGTAAAACTCGACGATTCTCACTACTTCTTCTTGAAAAGC
C

>trans_s_13037DQ838549|Ricinus communis molecular chaperone mRNA, complete cds

TTATACCAAATATTACGAGATTCTTGGAGTCTCAAAGAATGCGTCGCAAGACGATCTAATCTTCGCCTATAGAA
AGGCCGCTATCAAGAACCATCCTGATAAAGGTGGCGACCCGAAAAATTCAAGGAGTTAGCACAAGCCTACG
AGGTGCTGAGTGATCCAGAGAAACGTGAGATATATGACCACGCGTTATCTTCGTAAAGACCTTCCCTCCGTTT
GAAC

>trans_s_13038AY260035|Fendlerella utahensis 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CGAAGCACAAAAGTGTCCCCGTACGATGTCTTTCTCGTGGGTAAAGAGAGAAAGTGAAATACCACTACTTTT
AACGTTATTTTACTTATTCCGTGAAACGGAATATTTATGTCATTTTCTCCCCAAGTGCCCTATTTACTTCGGTG
GGCCGATCCGGGCGGAAGACATTGTCAGGTGGGGAGTTTGGCTGGGGCGGCACATCTGTAAAAAGATAACG
CAGG

>trans_s_13039AJ630505|Solanum tuberosum partial mRNA for MYC transcription factor (jamyc2
gene)

TATCTGTTTTCTCCGATTCTGCCATTGGAGCTTCGATTTCAGCTCGTTTATGTACGAAACGGCGTCACCGAGTA
GTGAGGCTTTGTCCATTTTAGATACGTTTGGAACTACAGCTCGTAGAGCGTAGAATTCTGGTTTAATTTCTCT
CGCCGTTGTCTCTCTGCTTCTACGTGATTCAATGGCTCTTCTCTCCGTTTGCTGGTTTTCTACCTCTTTTTCT

>trans_s_13040EU599037|Solanum tuberosum starch-granule-bound R1 protein (R1) mRNA,
complete cds

AATTGGGACTTGCAAGGATCTTGGTGTGGATGAGATTTATGGCAACAAGGCAGCTTATATGGAATAAAAACT
ATAATGTGAAACCACGTGAAATCAGTAAAGCACAAAGACAGACTCACAGATTTGTTAGAGAATATCTATGCAAG
CCATCCACAATATAGGGAGCTTTACGGATGATTATGTCTACACAACCTGCCCCACCACTTCCTCTACAACCAC
AGA

>trans_s_13041GQ504619|Ficus ingens isolate Fsp120 rpoC1 (rpoC1) gene, partial cds; chloroplast

CCCTTTTATAGCTATGAATCCCTCTTTCTTTTATTGGATAGGATACTATAGGATCTCCCCCTCCCAAAATCGGAC
GTGAAAGTTTCTTTTCATCCGGCTCAAGTAGTTACATCAAATAAAGGGATTCCCGCTTTCAAATTCTATAAAAT
AAAACCCCCCACTACTCTTTACTCAAGTTCTCAATTAAGACCAAAGAACATTACATTGATTCTTTTGCTTT

>trans_s_13042Novel Gene

AGCTCTTGGTGAGGAGACCGACGGATAAGTTGCTAAACAAAGGGGAGAGGGGAGGATCGACCCGTTTCAGT
ATCATTCCGAAGAAAGACTGTTGGCAGCTGGTGGAGACATTTCTTTGGCCCCCTGAAAAAGAAAATGCGGGC
TGGGTGAAGCTCGGCAGAGAGTTTCGAGACAGGTTAGCGCAACGAGGCGGGTGGACTGGAGATGGGCCTCCC
AACCACCA

>trans_s_13043DQ629260|Thamnobryum alleghaniense large subunit ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

CATCAGAACTCGGGTTGTGCATCATTCAAGATGTCTTGAAGGGGAAAGTTTGAAAAGAAAACCAACAAGGG
GTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGCCATCGACTACGCCTTCCCACTACCAAGGGTGAATGGATTAGAGATC
AGACTCGTCATCGTTTTTCATCATCACAGAGAAAAGACGAAGTACCCCGGCTGTGTCCCTGTAACTTAATGTC
CG

>trans_s_13044EF207444|Daphniphyllum sp. 205-82 inverted repeat B, partial sequence;
chloroplast

TCCCGTTCTCAACCCATGACCAATATGAGCTCGAGGTTTCCTTCGTAACCTCCCGGAACTTCTTCGTAGTGGCTCC
GTTCCATGCCTCATTTTCATAGAGAACCTCAAAGTGGCTCTATTTCAATTATTTCCATCCATATCCCAATTCCATCA
GAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAGGGAGTCC

>trans_s_13045X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

TACCAGGTACAGGGTCTACCCGGCACGGCATGTCCCTCTCTCTAGGAGGTGAGGTACCGTTGTAGAGATCTTC
CAGCGAGACCTTGAGGGGATGGATAACATCCTCTCCCCTTCTCTGCCTTCGGCCTCTGCTGCTTCCACCACCAC
CAAACGGGCTTCCACCAAAGAAAGACTGGAATATGTCAAATGGATCGTGGCCACCGCCACCTCCCATTCCTTC
CT

>trans_s_13046NM_001059719|Oryza sativa Japonica Group Os04g0493400 (Os04g0493400)
mRNA, complete cds

TGCCAGATTCAAGTATCCGATGGACTACAATAACATCACTAATATTATGTCTTTCATCAACCTCCATGCTGCCAC
CCTTTTCCACACCACTATCGGAATTCTCATTCACTCTCAAAAATCTACCGTGGGTACCTTGTTTCATTAGATTGAG
ACGACCTCTCTCTAGTTCCTTTGTCTTGAAACCATTGCTTTCGAGTCCCCAGCCTCGGAAAATGATT

>trans_s_13047Z29111|L.esculentum mRNA for signal recognition particle 7S RNA (variant N)

GGTAACCCCAAGTGGGGGCACTGAGGTGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCGTGTAGGGCTTTACTGAGATG
ATTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCCTTTTGTCTCGACGTAGGTTGGGAGTCCATTGCTCGT
AAAGATGGAGGAAACCGCGTGAGGCTGGTTTACAGAGCAGCGTCACCTCCCGCTCTGTGGTGAAGGAT
A

>trans_s_13048FJ753872|Echeveria purpurorum external transcribed spacer and 18S ribosomal
RNA gene, partial sequence

TAACCGCGAGCGAGAGAGCCTACGTACGTAAGCCACCGTATGATAACTCCCTAGAAACGTGTTGCCTTTGCT
CATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCGTATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGCATGCATGCGGGAAA
AAAGGGAACAGAGAGGGGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATCG

>trans_s_13049U09988|Glycine max Williams 82 mitochondrion NADH dehydrogenase subunit I
(nad1) gene, exons D and E, partial cds, and maturase-related protein (mat-r) gene, complete cds

ACGATATCGTTATGATCAATTAATGGGACTTGGCTGGAAAGTGTCTTGCCTCTATCATTAGCTTGGGTAGTCT
TAGTTTCTGGTCTTTTAGTCACCTTCAATGGCTCCCTAATTATGTGCGAGGAATTTCCCTCATCGAGCGGCAA
AGGATAAATAGAAGGGGAGGGGCATCTACCTTCTGTCATGGGTCCTCCGACTATTCGTCTGGTGTCAAGT

>trans_s_13050Novel Gene

CATACGTAAGAAGTCAAAGGTCAAGATGCGTCCCTTGTGGATGGCTTGCTGGTTTTTCCATCATCCAATCCACA
ACAAATCGAATGAAACCTGGCGAAAAAGAAAAAGAAAGTTACACCTGTGTCCTGCTGAGGAACTCGCTCGAC
CCCACGGAGCGGTTCAAGAAGATCGACTTCAGTCAATGAACAAAGCCTCGTCTTTCTTTGCAGGGACCATC

>trans_s_13051AF487258|Stephanandra tanakae isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE)
genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

TGATAAAAGCCTAGTCCTTTTCAAAAACGAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTT
GGAATTGATTCTTCCCGGTGCGATGCCCCGAGCGGCTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCT
ACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCCCACCAACAACGACCCCAGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATG

>trans_s_13052AJ429678|Luculia gratissima chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene (partial)
and tRNA-Met gene

AACTCTCGAGGCGATAAGAAGCCAACTTGAGGAAAGCTCAGGGCAAGAGACAAACAATCGAGGCAAAAAAT
CTCTCTCTCAGAGCTAGGACACGAGTAGAGGCTATCAATGGCGTACCTAGTTAATGCGTCTATTATATAAATAC
TTATGAAATTTTCATGGAAAAAAGAATTACAATTAATAAATGAAATAAATATAGAGTCGGATGGAAAAGGTC
GC

>trans_s_13053AY143910|Arabidopsis thaliana At4g27020/F10M23_360 mRNA, complete cds

GCGAATTTGGGTCGGGCTTTGAAGTTACCTTCAGGGCTAACGATGTTCTTCCCGTTCTCCACGACAGATATC
GTGGCCGGTGCTTAATAATCTCCATACTGCCGTGGATTTGTTGCCGTCTTATGTTGGGTCAGTGACTCCCAGTA
ATGGAACGATTGAGTGGAAGGAGCTTGCTTCTCACTAACGAAGCGCAGATTAATCTTACTGAAGGCGAG

>trans_s_13054AY726670|Glycine max nitrate and chloride transporter mRNA, complete cds

GGAAAAAGTACAAAGTCCCACGTCCTCTATTTCTCTTCGTGACGCTTATTCTGTCCTGCATCGGTCATCTTCTAA
TAGCATTTCGGAGTTCCGAATTCATTGTATTTTTCTTCAATCATAATCGGGTTCTGCTTCGGCGCACAGTGGCCAT
TGATCTTTGCAATCATATCGGAGATTTTCGGGTTGAAGTACTACGCGACTTTGTACAATATGGGTGGAG

>trans_s_13055EU373042|Gossypium hirsutum gland development related protein 51-like mRNA,
partial sequence

GGTTGACTGGGACATAAACTAACCGGATATGTCACACATCTTCAGCGAATAGTAGAGCTCTGCATCAAGCTT
CAACAAGCACTCCACTCCAGATTAACCTTATCATCACATGCTGTAATCATGTCTTTAAAGGAGCCTTCTTTTCTC
TGTCGGATATTCGAGCTGGACCAGTTGTATGCGACTTGAAACGACCTCTTCCTCCCTCTTCCTTTTCCTT

>trans_s_13056AL161591|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 87

AAGAACCTGAGGGGGACTGTCGAGCCTTCGGACTAATTAAGCTACGTAGAACCAATGAAGATAGAGGCGCAA
TGAAATATGCGAGGAGAATTTGACATAAAGAAAGAGACGGTTGCACCGCCTCAATGAACAAGGAAACCTGGA
ATATATATTCAGTTTGAAAGTGGAATCAAATAACTAAGAACGAAGATTTGTTGGGAACCCCTTTTAAACATTG

>trans_s_13057X07237|Vicia faba genes for cytochrome b and ribosomal protein S14

AATGGTATTTCTACCGATCTATGCCATTCTTCGTAGTATACCTGACAAAGCGGGAGGTGTAGCCGCAATAGC
ACTAGTTTTTATATGTCTCTTGCTTTACCTTTTTCTAAAAGTATGTATGTGCGTAGTTCAAGTTTTCGCCCTATT
TACCAAGGACTATTTTGGTTGCTTTTGGCGGATTGCTTACTAATAGCAACCTATAACAACGTTGGACAC

>trans_s_13058GQ998865|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum
accession no. 581-4C 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

ACTACGACAGCTAGGCATAGAGTCAAATCTGCTACGTTTTACATGTGGAATCCCGTGTGACGACTAAGGACCA
CCTTGCAAGGCTAAATACTCCTGGGTGACCGATAGTGAAGTAGTACCGTGAGGGAAGGTGAAAAGAACCCC
CATCGGGGAGTGAAATAGAACATGAAACCGTAAGCTTCCAAGCAGTGGGAGGAGACCAGGACTCTGACCGC
GT

>trans_s_13059EF207454|Pterostemon rotundifolius inverted repeat B, partial sequence;
chloroplast

AAAGTGCGGGAGCGGATAACTGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCAGATACTCACTCTCTCTAAGA
GACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGGGATGGAGCGAC

AGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGT
T

>trans_s_13060GU397085 | *Hillebrandia sandwicensis* voucher Montreal Botanic Garden 296057
tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

TAAATGCTCCATAGATAATAATAAGAAATATTTTACTGTAATACCTTGTTTTGACTGTATCGCACTATGTATCAT
TTGATAACCCAATAAATCCCATTATCGTATCCCCAGTTCAAATCAAATTTTAAATGGAGGAATTTAAAGGATAT
TTAGAACTTGAGAAATCTCGGCAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAA

>trans_s_13061GU983667 | *Malus x domestica gigantea*-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

TGGCCAGAGACAGATAGAAGTTCCAGCAGCAGAAGCAACAATTGAAGCAACTGCTCAAGGGATTGCATCCAT
GCTTTGTGCTCATGGCCTTGAAGTTGAATGGAGAATCTGTACCATTTGGGAAGCTGCTTATGGCTTGATTCCAT
TAAGTTCTTCTGCAGTTGATCTTCCAGAGGGACTCAGAGACGTCTGATCGTTTGAAGGGTTCA

>trans_s_13062DQ414725 | *Cucumis sativus* cultivar guonong25 raffinose synthase mRNA, complete
cds

AGAGTGGTTCGTCGAAAGTTGTTGATGCATCGTTCCGAAGTGTGTTGTATCTTCATGCTGGTGATGATCCGTTT
GCACTTGTTAAGGAGGCGATGAAGATCGTGAGGACCCATCTTGGAACCTTTTCGCTTGTTGGAGGAGAAGACT
CCACCAGGGATCGTGGACAAATTTGGTTGGTGCACACAAACATATTTTAAAGATTAAACCACG

>trans_s_13063CP001330 | *Micromonas* sp. RCC299 chromosome 11, complete sequence

GCGTATTTGCGCGATTACTAAAATCAAGGAGTATATCCCCTCTCCCTATCGCAGCTTCGCACCTCTCGCTTTAGT
AGCTAAAGCAGCTTCGCACCTCTCAAGAAAGAAGAAGATCAGCTGAGCTTTTTCTCTGATTTGACCGATAGTC
GGACTGATTTATGGAATTCATTGATTTCTTGGCCAAGTTCCTCTACAATCCTTTTCCCG

>trans_s_13064Z34917 | *Hordeum vulgare* mRNA for bas1 protein

CTAAACAAACCCCTTGTCGAGGGGCTGACTTTCAATAGATCGCAGCGAGGGAGCTGCTCTGCTACGTACGAAA
CCCCGACCCAGAAGCAGGTCGTCTACGAATGGTTTAGCGCCAGGTTCCCCACGAACGTGCGGTGCGTGACGG
GCGAGGGGGCGGCC

>trans_s_13065GU474424 | *Asparagus adscendens* 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

CCAATGGGGGGCCCCCTCCCGAGGGGGCGGGGCCCTATTTCCGTTTTGGATATTTAAATTTGTTATTAAGTAT
CCTTTTGAAAAGAGATAAGAGCTGGTGAATCAGAAAAATTAATTAGGAATTCGAGAGCCGAGATATCCGTTG
CCGAGAGTCGTTGT

>trans_s_13066XM_001416935 | *Ostreococcus lucimarinus* CCE9901 NCS1 family transporter:
cytosine/purines/uracil/thiamine/allantoin (OSTLU_24245) mRNA, complete cds

AGGAGAGGCGAGGAGCGGATTCCCATCCGGACCGATTCTGTCTACGCTCCGATCGGCCTATGAAAGATACC
TGGATTCGCTGCAAGGAGATAAGGAGTTTTGTATCCATTGAGACGGGTCGATGCGGATCGGAGTGATCAGA
GGTCTTTCATCCATC

>trans_s_13067AB005573|Solanum tuberosum mRNA for metallocarboxypeptidase inhibitor, complete cds

AGTGGTCTCGGTAGCTTAGTCAGCTTAGCTAAATACCCAATATAATAAACAGCGTGGGGCTACCTTGTTGTTTG
GATATCCATGCTTTTTCTTTTTCTTCTACTACGTCTACTGTGGTGTGTGTGTGAGTATGAGATGAACCGTTGGG
AGCGACGCAT

>trans_s_13068NM_001071629|Oryza sativa Japonica Group Os10g0521900 (Os10g0521900)
mRNA, partial cds

CCTGAAGAACTTTTTACTCTGCAGATTGGTGAAATTGGGAGCTCTGAAGTGGAATAAGGTTGTTACGAGC
ATCAAGGATGGAGACTTTTCTTGTATCTGGTTGCACGCTGGAATCATTATCTTCTTGCTAATATGTTGAGTT
TGGTTGTGTAA

>trans_s_13069XM_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family
protein, mRNA

TGGCAGTCTTGTAGGCAGAGGTAATGTGGTCATATCCAGGGGCTACATCTGTAGTCAAAGGACCAAGAGTGT
AAAAAGGAGCTTCATTACCACTCAAGTAAGGGGCGCACCTGGGAGTATGGCATGGGTTACTTCAGCGCCG
TAGCGCCTGGTACTC

>trans_s_13070XM_002863373|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata KH domain-containing protein,
mRNA

CTCTGTTGATTTAAAGAACTGTGATGTTGTTTTAGTCCCAAAGGAGGTTGTGCTTCTAAACTTTTATAGGCA
AGGAGATGAACAATTCTTCTCAAGTCAGTTTGCTGTTGCATCGGAGATTGAAGTTCTCTCGCAAGATAGTGG
TGTGGAGAAACA

>trans_s_13071EU750064|Salix exigua voucher OAC:JAG344 23S ribosomal RNA gene, partial
sequence; chloroplast

CCTCGTTCAGAGTCACTTTCCAATTTACAGGTCCTGACACAAGGTTAGAATTCTAGCTCTTCCAGAGTGGTATC
TACTGACAATCAAAATTTTTTAAGGGGGGGCTCCTCTCGCTTCCACCTAAGCTGCGCAGGAAAGGCCCAA
AGCCAATCCCAG

>trans_s_13072AB112644|Humulus lupulus chloroplast DNA, upstream region of trnS, North
American wild, haplotype: NA3

TATTCAATTTTTTTTGATAGGCACGTCCAACCAATTCTAACTATACAAATAATTTTTTTTAACTATGTTTAATGG
ATACTTTTAGCTCATGATTCTATTTAGCCCCCAAATGATTCCTTTTTCTTTTTTAAGCTGAAAATGAGTTT
TCTCGGG

>trans_s_13073NR_022034|Arabidopsis thaliana (AT1G03935) ncRNA

ACAACGACTCTCCCGTTGCCTACTGGCTATGATTATATATTTATCCGCGCTCCGAGGTTAAACAATGAAGCAA
GATTGAATAAATGGTTGAATTTCTTAGTATGAGCCAGACGGTGATGAGTCTATCAGACCTGTTATGATTTGCG
AATATGATCGCA

>trans_s_13074EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

AATGGATCTTCTTTTGAACCTCAGAGTAGCATCGACTCAGCAATTCGCCGTAATCATAGAATTTTATCTATTCTG
GAGGCTCTCTTTTCTAAAGCCTTCTTCTCTTGAACGTCTTGGAGTTATAGTTCAACCTCCCCAGGGTCTTGT
CGCCGAACG

>trans_s_13075DQ399793|Phoenix dactylifera elongation factor 1-alpha mRNA, partial cds

CTGGTTTCGAGGGTGACAACATGATTGAGAGGTCCACCAACCTTGACTGGTACAAGGGACCAACCCTTCTTGA
GGCCCTCGACCTGATCCAAGAGCCTAAGAGACCATCTGACAAACCCCTTCGTCTTCCACTTCAGGATGTCTACA
GAGCCAAGAACC

>trans_s_13076AB252057|Brassica napus gene for 16S rRNA, partial sequence

GAGCTTGCTCCATGATTACGCGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAACTGCCTGATGGAGGGGGATAACT
ACTGGAAACGGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGTGGGGGACCTTCGGGCCTCATGCCATCA
GATGTGCCCACTACA

>trans_s_13077DQ306812|Hevea brasiliensis isolate SSH83 mRNA sequence

AAGGCAACAATATCGCAACTCTGAACATGCTCGTTGATGGGTTCAACTGTCAAGTGTTCTCAAACCTCCAACA
GTTGGCTGTGTTCCAGTAGTTGTGCCGTGAGCATTATCTGTAGTTTCTTAATACCATATCCAACAGGGACGAGT
TTGGATGCTCCC

>trans_s_13078EU915560|Triticum aestivum RAD51D protein (RAD51D) mRNA, complete cds

TCGCCGATTGGCCGTTGATTCTTCATTCTCCATTATTAGAATCCTTGGCGGTAACGATTACAGAAGAAAATCCTC
TCACCATACGCATGGCTTGGTTGATTCTAGTCCTTCTCTCAAAGCTCCTATCGTTTCGTCTCGAGATGGTGCTGC
GCGGAGATAG

>trans_s_13079AF393603|Nitella sp. CL-2002 large subunit ribosomal RNA (rrl) gene, complete
sequence; chloroplast gene for chloroplast product

ATTCGCCATGCACTCGACCCAAGTGAACGCTACACTCACAGTTCGGTCCATATCCGGTGTGGGCGTTGGAAGT
TTGAGAGGAGCTGTCCTTAGTACGAGAGGACCGGGATGGACACACCGCTGGTGTACCAGTTGTTCCGCCAGG
AGCATGGCTGTTGC

>trans_s_13080AY545876|Suaeda fruticosa ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large
subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

TAAAGAAAGAGGCGTGACACACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTGGTTCGGACCCCGCTGGTGTAAAGATT
ATAAATTGACTTATTATACTCCTGAATATGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCT
CAACCGGGAGTTC

>trans_s_13081AY125528|Arabidopsis thaliana AT3g08530/T8G24_1 mRNA, complete cds

CAATGAATTAATTTCTCTCATGGAGAGTGGACTGGGACTTGAACGTGCTCATATGGGTATCTTCACTGAGTTG
GGAGTGTGTATGCTAGATACCGCCACGAAAAGCTTATGGAACATATCAAACCTGTTCTCAACCCGGCTTAATA
TTCCCGAAGCGGA

>trans_s_13082Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

CTCGTTCCAGTCAACAGCAGTCTCCAGAGAAAAGACTTTTGGGGGTTAGGCGAGAGCGAGCGGCGATGATTG
GGGGTCTCGGTTGATTTCCCTTCCTTTAGCTACTAAGATGTTTCAGTTCGCTAAGTTTGAAAAGTCCAAAGAGC
GCAGACTAGGGTT

>trans_s_13083CP001574|Micromonas sp. RCC299 chromosome 1, complete sequence

AAAAGACAAACTCAAATCATATAAGAAGAACTCTGAATATCGGTAGTTGTGTGGCGAAGAATTCAGATCCTTT
CCTTTCTCAAAGCCAGCGCCCAAGAAGCCTTGTAGTCGGCTGGTAAAGGTCTGCTTAGTCAAAC

>trans_s_13084XM_002865061|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AGAAGATTCTGGAGCAAAAACAAAGGTTGCAGCTAGAGATGCAGAGGTACCTGTCTCTTAGGCAGTTGAACA
AGGAAGGTGATGCTCCTGAGACTCAGAAAAAATACTGTTCAGCTTCCGAGTCATGTCTCGTGAGCC

>trans_s_13085XM_002893553|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kelch repeat-containing F-box
family protein, mRNA

CGGGTTTTCTGCGACCTTGCCGAGAGGAGCCGAAAAAGGATGATACCTAAGCAAACAAGACCTGAGAACTT
GAGGGTGTCAAATCAGAGAAGCATTCTGGTGCATCAACAACATGCCAACTTACATTAAAGCTCCACT

>trans_s_13086FJ122070|Pinus taeda isolate 6205 anonymous locus CL1123Contig1_04 genomic
sequence

CTGTTTCTGTTTCGCATCAACGGCAGTCACATCCAAGTCACCATTACTACCACCTTTTAAACCCGAAAATGTTG
GTCTGTATAAGACTTCGTCCCATTATTCTCTACAATAATCTCCAGGTTGGTAAGGCGAAATGGGG

>trans_s_13087AB009450|Astragalus sinicus AsNODc22 mRNA for nodulin, complete cds

CAGCACAACCACTTTAGCACTTCAGTTTGGATAATATGTTTACAGTAAAAACCAGTTGGACATTCAGACACTCG
TAGCACACGTGCTATATCTACTTAGTATGGAGTACAAATTGAATACAGATACAACATTTGTTAGT

>trans_s_13088EU137887|Euryale ferox microsatellite EF-E16-12 sequence

GACCAATCCGGACGGAATCAAAGTCAATGGAAGGAAGAAGAAGAGGAAGAAGACGGACTCTGTTGCTT
CTTCAGTTGTGTTTTCCACTGATGTTCTTAGATCAACGTAGTGGTACATATCATCAAAAGTACAGGA

>trans_s_13089DQ512880|Thalassia testudinum microsatellite TTMS-TGA39 sequence

AGCTGGTGGGGCGGAAGAGAATGGAGAGGAAGAAGAAGAGTTTGATGGGGAGGAGGATCAAGATGATGA
TGGTGATGATGATGGTGATGACGATGATGGCGCTCTAGCAGAAGCAGTAGTCTACCTGTACTCCT

>trans_s_13090Novel Gene

CCAGCCCATGGCTGTTGGGGCCACATCTGAGGGACAGGCTGGGCTTGCGGGGGCTGAGGCTGCATCATCATG
TAAGGAGGTTGCTGTTGTTGGTACTGAGGGGCCTGGTGAGGCATGTTGTGAGGAGCAACA

>trans_s_13091Novel Gene

TTGACACGTTGGTGCCCTAGGGACTCCCAATTCGCCGTGTGTAGTAACCGGAATAACCCGAGACCGGCGTCC
GAGACGACAACCCGAAACCGAAACCAATTGAGCTCTGCAAATCTCCCTGTCGTAATC

>trans_s_13092AM950273|Atropa baetica microsatellite DNA, locus AB6

GCATCTAAACGGAGAGTTGGCCGTCGATTCCCTCACTTGGCTCTTCCATTTCATTTCCTTTCTCTTCTTACTT
CCTCAAGTATCTATAAACGATGGCTGATGCTGAGAGCGCCCAGCCACTACAGA

>trans_s_13093DQ487108|Panax ginseng dehydrin 3 (Dhn3) mRNA, complete cds

GGAGAAGAAGAAGAAGGAGAAGAAGAAGAAGGGTGAGCACGGCCACGAACACCACGGCGGAGATAGCAG
CAGCGATAGCGATAGCGATACTACCTAGTCTAGTCGAGCCTTAGTAATCGGCCTCTTG

>trans_s_13094AB465538|Lumnitzera racemosa chloroplast DNA, microsatellite marker Lumrcp01,
microsatellite marker Lumrcp02

ACGCAATCGTAGGCGTCCCTGGGCTTGGCGGGACTGACGGGACTCGAACCCGTGACACTTACAGGACACTTT
ATTGTAGAGTCAACCGTGAACATAATCCAGTCTCTCTCCCCCTCGTTTCTC

>trans_s_13095Novel Gene

CGCTCCAATCAGGTATCTCACTCATTTTAATTCTTGACCCCGTTCTTTTCCTAACATTTACTTGAATCTGTAGTAG
TTTATTGACTCACTGACAGATCGTGCTGCGTTTTCTGGAGGCCTGGC

>trans_s_13096EF421796|Gossypium hirsutum MYB10 gene, complete cds

AGGAGTTAAGAGCTCTCTTCTCCTGTTTTCTTCTATATTATCTAACCGAACTGAACTAATGTAAAATAACAA
AATCGAACTCAAAATAGAATTACAAATTCAGAGATCCGCCCTACTAC

>trans_s_13097XM_002863304|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATERF-2/ATERF2/ERF2, mRNA

GGTTGAGAAATCCTCGAAAACGATAACTCCGTCTCCGTCTTCTTCTCGTCTTCTCGTCTTCATCGTTTCTGAA
GTTTTCTTTGAAGTATCCATTGCATAGAGACACCTCAGCTTGTGGAC

>trans_s_13098X77575|H.vulgare (Dbg576) ES43 mRNA

CGGAATTTGATCGCGCGGGAGATCCCACCCATCCCCATCCCATCCCTCATCCCACGCCCGACGTTTCGACCAGC
CTAACCTAAAGAGATTTTCAGGTAGGCCTCCGCCTCCCTCTTCC

>trans_s_13099Novel Gene

GTCGAGCCCTCTGATTCTCTCAAATTCTTTGATCCTATCCTTGAAATTCAAACCTTGAACCTTCTTCTTATTTC
CGTTTTTGATTCTTTAGCGGCTGTTTTCAAGGGAATTTAA

>trans_s_13100Novel Gene

GTCGAGCCCTCTGATTCTCTCAAATTCTTTGATCCTATCCTTGAAATTCAAACCTTGAACCTTCTTCTTATTTC
CGTTTTTGATTCTTTAGCGGCTGTTTTCAAGGGAATTTAA

>trans_s_13101NM_001068772|Oryza sativa Japonica Group Os08g0516000 (Os08g0516000)
mRNA, complete cds

GATCTGAAATTGAAGCAGAGCAAGAATCAAGAGAACTGATAGAAACAAAGATCAGGGAATCTGTTGAAGTTT
CCCATGAAAGTGAATTACTAGTTGAAGTTCATCAAGCAAGAGGG

>trans_s_13102Novel Gene

CCTACCAATAAAACGTACTTGATTAACAGTTTATTCAATTTTAATCATTTATTCCTCTATTCTGCACTATATAATT
GAAGGCTTCTCAACTAGGCGCTTGTTGCTATCTCTCTTCC

>trans_s_13103XM_002891593|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipase class 3 family protein, mRNA

AGCTCCAACCTATACAAGGGCCTTGGCCTAGCTTACTAAGCGCTGGAATCAAGAGGTCCAACAACAGAAGCA
GAAGGTCTAAGGAAGCGGAAGAAGAAAAAGAAGACCCTCAATG

>trans_s_13104Novel Gene

GTTGAATGTCTTTGGTTTTCCACTTCTCCTCGGCCACGAAGACGCAAACAAAGACGAATCAACCAAAGAAGAA
GAATCCACCTGAGAATGTGACATTGCACCTTGAATACGGTT

>trans_s_13105NM_001084908|Arabidopsis thaliana F-box family protein (AT4G12560) mRNA,
complete cds

CGGACGATTCTTTGCTGCTGCAATCTTCTTGATTTGATTTTGATTTTGATTTTGATTTTGATTCATTGAAGCCAT
CTCATTTTCTTTTGCCGCATCGGTAAACAGATAGCGAC

>trans_s_13106AF446879|Arabidopsis thaliana At1g53460/T3F20_21 mRNA, complete cds

AAAGGGAATCGGGTCTTCCCTCACAATTCATAAATAATCTATTAGCTTTTGTCTCCTAGAACTTTTGTTAAGT
TTTAAGTCTTCTGATGCACTCCCCGGTAACTTGTCGA

>trans_s_13107AB469061|Oryza officinalis DNA, ADH1 region, complete sequence, strain:
IRGC100896

AGGAGGAGGTGAGGACGGAAGTGGTTCGGACGGAAGCGGCGGAGGCAAGACAGCAACAGCAGCAGCAGC
AGCCAAGCCGATGTATGACGTGCAGGCGGCGCGTGTACCAAGT

>trans_s_13108AM111311|Plantago major partial mRNA for polyA-binding protein (pabp1 gene)

GGAAGCTATGGAGGTTTTGAGGAATGTTGCGGCAGCTCAGCAGCAGCAGCAAGCTGGCAATGCAGCAGATC
AGCTAGCTCTCTCACTATGTCAATTCTCCCTTGTGTCGTGAG

>trans_s_13109AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

GACCAATTGAACTACAATCCCAAGCTCAGGAACGCTTTACACTTCGTCTTAGTTAATCGGACGATTGTGATGGA
CCCAACCATCACCGCCAGCGTTAACTTTCGTCATTGCTC

>trans_s_13110Novel Gene

GACCTTTCAATTCAGCAGACAGACCATTTAGGCAGATCACTTTAGCTGTAATATTCTGAAGCACATTTAGCACT
AAAGCATACTATGCATTAACGAATACACGTTCTAAGAA

>trans_s_13111Novel Gene

TATGAGCGAGTGAAGTGAAGCTACGCCAACTCTTAAGCCCATCTCTCATCTCTTTGATCTCGACAACTTTGTGT
TAGGTGAAACGTTGAGAAAAGAAACGAACACTTCAAAA

>trans_s_13112AB257588|Silene latifolia DNA, Y chromosome fragment sequence

AAACCTGTTGTGACAAAGGTGTTTGCAACTTCAAGATATGAGAGAAATGTAGATTCACAGACAAACTCACATG
GAATAATAAGTCTTTTACTCTAAGAGTTCAAACATC

>trans_s_13113Novel Gene

TCAGTCCAGATTTACCTGTGAAGTGAATAAGGGCCTCTGTCTAGTGCTACGTTTGACTGAAATTCCAAATGAA
TTAACACGCTGATGTGCAGCTCGAACCTCTGATGATC

>trans_s_13114Novel Gene

TGAGGACAAGGAACAAGCAGTTGAAGTACAGTCAGTACAAGAATCAAAGGAAGTGATAGCAGAAAATATAG
TTAAATCTGTAGAAATCCCAAGGGGAGTGAATTGCTCA

>trans_s_13115Novel Gene

AAAGATAAATTCCAATTCCAATTCCAATTCAAATTCAAATTCCAAGTTGCCCATCTTGTGGTTGGTTATAACGA
GTTTCGATCTCTCTGTCAGAGAATCTCTAAGAAACC

>trans_s_13116FJ042974|Juglans olanchana isolate 4395 LEAFY-like gene, partial sequence

GGGTTATTCTATTCCACCTCTTTCTTTCTTTCTTGAATTTAGTTTTATGAATTATCGTACCGCTATGTAAATATGT
TTTGAAGATGGGGCTCGTGTGCACCGTTCTAA

>trans_s_13117Novel Gene

GTCTGTCTGATGAAGTCATACTCGTTTGAGATTTAGTCGTTGTATTGACAGCTGATCCTTCAACCCCTGTACCTG
AAGTTGCCTCCTTCTTGCTCTTAGAAGAACCACC

>trans_s_13118Novel Gene

AAGATAAATTCCAATTCCAATTCCAATTCAAATTCAAATTCCAAGTTGCCCATCTTGTGGTTGGTTATAACGAGT
TCGATCTCTCTGAGTCAGAATCTCTAAGAAACC

>trans_s_13119FJ713027|Camellia oleifera seed ripening regulated protein mRNA, complete cds

CCCTCTCGTCTGCCTCTCCTCTTTCAGTCTCTTCGCCAAACAGATCCATATCGTCATCGTCGTCGTCGTCAT
CAGCACTAGCCTTAGCATTGCAAGTGCCGTTT

>trans_s_13120AL161508|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 20

CTTCTCGAGAGCGGTCATTCTGATGGGTTACAAGATCGTGATCAGACGACACGAAGTTTTGGTCCTCCTTGAA
ACCTTTGGATTTACGCTGTCGTCGTCGGGCCACG

>trans_s_13121FJ713027|Camellia oleifera seed ripening regulated protein mRNA, complete cds

CCCTCTCGTCTGCCTCTCCTCTTTCAGTCTCTTCGCCAAACAGATCCATATCGTCATCGTCGTCGTCGTCAT
CAGCACTAGCCTTAGCATTGCAAGTGCCGTTT

>trans_s_13122Novel Gene

ACTAACCCGTCATCTAGACCTCTTATAGCCTCGTAATCTTCTCTTCCTTCGGTTCTGACTAGACAATCCTATCTTC
TCTTCAGTGACTAGATTATCCCTACGAAAGAG

>trans_s_13123Novel Gene

ATAGAAACATCCCTAACAAAGGCAGAGGCCCGATGCACATCTACTATCTGCTGCCTAAATCTCCACCATTACC
ACCTCTCCAACTACCATCTTCTCTTGTGAACATG

>trans_s_13124Novel Gene

CGAAGGTACTCGTAGTTTGAAATATAGGTTTCAGAGCGAAGCAGCTCTACGTTTTCAATATAGGTTTCAGAGCGA
AGGTACTCGTAGTTTGAAATATAGGTTTCAGAGCG

>trans_s_13125XM_002314999|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

ATGACTCGTCTTGCTTCTGGGATTGCTGCTTCTTCTGCTGCGTTGTCAGCTTCTACTCCTAAAGGGGCCAAATCT
GGAAAGAGACCTCACATCCAACGTGAGAACCC

>trans_s_13126Novel Gene

TCGGAGCTCGGACTCCTACTTCTCCTTTGACATGTGAGATATGATAGTGATATCAATACTTATACTCTTCGACT
CCAAAGAAACCTACTCAACTCAGATAGGCGCT

>trans_s_13127GU066224|Rhizanthella gardneri rpl16 mRNA, partial cds; chloroplast

TGCTATGCTTAGTCCCAAAAGATGGTCTAAGGCATTTGTGGTATCTCCTTCTTACTTTCTTATAGAATAGCTCC
GTTAGACGTGGTAGTCAAAGATACGAGTAAAA

>trans_s_13128NM_001049688|Oryza sativa Japonica Group Os01g0507500 (Os01g0507500)
mRNA, complete cds

CAAAGTCCAATGTCCTCGGAGACCGGGGAGACCGAGGCATCAGCAGTGGTGGTGGCAGTGGACGTGGCAGT
GGTAGTGGTTATCGAGCATGGTGTGTACAAGGTGT

>trans_s_13129Novel Gene

ACTCGTACTCTTCAGGTAATCAGCTGTAGTTAAAAGATAAATTTCCCAATTTCTCCAATGTATAAATCATCAGA
GCTAAAGTTGTTGCCGTGCCGCAGTGCCTTCG

>trans_s_13130AF230211|Cucumis melo translationally controlled tumor protein-related protein
mRNA, complete cds

CTCTCTCTCGTCCCCCCCATCAAAAAGAAACGTCCTCGCTAGGCCTCTAAGTTAAAACGTTAGTACAACCAAA
TAGTCCTGGAGCTTTAGTTGCTGCTCGTGAGA

>trans_s_13131AJ532521|Oryza sativa snR53Y snoRNA

CCTTCCCTCAGAAAATTAAGGAAAAGAACAATCACAAATTGATCAGCATTAGCATGGTCAAGTTAATCATCACT
GGGAAGAGGGGTTGACAAAAGACTTGGTATGC

>trans_s_13132NR_022073|Arabidopsis thaliana (SNOR111) ncRNA

CAAATGACGACTGAAACGATATCTCGGCCTTCACTATACCTCACTGTTCTTCGCGGCGGAAGAGATAATGGTC
TCAAGCACCGCTTCATATGAGAACAGAGGCTT

>trans_s_13133FJ785195|Isoetes maritima isolate IMC01 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 2, 4.5S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 3, complete sequence; and 5S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AGCGGACATCAGGGATGCTCTAAGCATGAAGCCCCCTCAAGATGAAACTTCCCATCACTTCGAGTGAGTAAG
ATCCCTCAGAGACTCTGAGGTTGATAGGTCTC

>trans_s_13134BT026079|Arabidopsis thaliana At3g54180 mRNA, complete cds

GACAAAGCTTATAGGACTCTAATGAAGCATTTAACTCAGAATCATCCAGAGACAAGAGCTCATCCAGCCATCT
CATCATCGATGAAAATGTACTTGTGAATTCCT

>trans_s_13135Novel Gene

ATGTTTCATGTTTCCGAAGCATATTAATACTAACTTTAGACGGTCATAATTTGTCGAGGCACATTTAAATAGAACG
TGAGTCGATGGACAGAGGACCATGTAAGTAA

>trans_s_13136Novel Gene

AATGCCATAAACTCTGCAACTGTTGTGGCTGTTCTCATTGCTACTGTTGCTTTTGCGGCTATATTCACCGTACCA
GGCCAGTTTGTCGAGCAGAAATCGAATGGT

>trans_s_13137Novel Gene

AACAGCATCAACAGCAACAGCAGCCACAGCAACAGCAACAGCAGACTCAGCAGCAACAACAACAGCGAAGA
GATGGAGCCCAACTCTTGAATGGAAATGCCCA

>trans_s_13138Novel Gene

TCCGCCTCCCCTTTCTCTCTCTTTTCTCTCTATTTCTCCCTATACAGAACTTCCAACAATGCATAACGCCGCC
GTCATCGCTCGTAGTTGGACCTTGTTGG

>trans_s_13139XM_002312677|Populus trichocarpa arogenate/prephenate dehydratase (PDTp), mRNA

AGTCGTCCTCAGAATCCATCAGATTACTGAAATCGAAACTAATCACTCTGATTTCTGTGATGTACAGCACGAA
GTTCTAGGTTGTGAAGAGACGAAAGCTCCG

>trans_s_13140AY359577|Zea mays B73 ethylene receptor (ERS14) gene, complete cds

TCAGGCAGGCCTCCTAGTTCGAGGAGCCTGAAATAGCGGTTGAGTGGAATTCAAAGTTCAGACTCGGGATCC
AACTCATCCTATCAAGTTTACGAAATCAAGGT

>trans_s_13141Novel Gene

TGAGTCGCCATGAGGATTTCGGAGATTGATGATGCAAAAGATGATGAGGATGATGATGAAGATGAATTTGATG
ATGATGATGGTGAGTAGTAGAAGTAGCATTA

>trans_s_13142NM_001051613|Oryza sativa Japonica Group Os01g0896200 (Os01g0896200) mRNA, complete cds

GGATCCTAGAAATGAAGAGGAATCAAATTGTTGGTTGAATTCGTCGTGTCCGTGGTCGTCTTCTCCAAGA
AGCTCCGACGAACTGTAGTGGAGAAAGGG

>trans_s_13143NM_001074124|Oryza sativa Japonica Group Os11g0242700 (Os11g0242700)
mRNA, complete cds

TGGTGGACACGCGCCGAGAGGGTTTAGGTCGTGGAGGCTGCTCCGCGATGCCAAAGCCGACGCCACAACCA
ACGCCGAGACCGAAGGCGGGACCTAAATTTCC

>trans_s_13144Novel Gene

AGGGATTGTCACAGTTTTTAATTTTCAGATAGTCTTCAGGATGTTATTAAGTGCCTCCCTTCTTACATCCTTCTTT
TAGAAGTGGACATTAAGTACAGCGAC

>trans_s_13145Novel Gene

CTGTAGTGCCGGCTTCTCTGGCTTAGTTCCTAGTGGGACTATCAAGTCTAGCAGCCTGAGTAATGGATCTGTTT
TTGGAGTACACTCTATGTTACGAGCTCC

>trans_s_13146FJ708727|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

TGAAAATTTCAAGGACTTGTCTGGTTCTTCTGATGTGAAGGAGCACCATTACAATCTGCATCTGGATCTGAGA
GCGATGAATCGGATATTGTCGAGCATGA

>trans_s_13147AF364174|Arabidopsis thaliana chromomethylase 3 (CMT3) gene, complete cds

AGGAAGCAGACATGCAGAAAGTAACTTGATCTCTTCTCTGTTTTTCAGACCTCACACGACTCTGTAAATTGAAAA
CACAGCAAACGGGTTTGATGCTCGTCTG

>trans_s_13148NM_113565|Arabidopsis thaliana PHT2;1 (PHOSPHATE TRANSPORTER 2;1); low
affinity phosphate transmembrane transporter (PHT2;1) mRNA, complete cds

GAAGAGTGTTGCATCAGGAGGTCCACGAAGGAGAATGGTTGGTGATGATAAAGATGATGTTGAAATCCCTGA
TGATGTTCTTGCCTTCGACACAGACGTGAT

>trans_s_13149U57838|Arabidopsis thaliana FK506 binding protein FKBP62 (ROF1) gene, complete
cds

CATGACTATGAATTTGACAACCTGGGAAGAACTTAAATAATTCCTCTTCTAGAACTCTTAGCAATAATAAT
ATTTCTCCCTACCGAGAATTCTCAGATC

>trans_s_13150Novel Gene

CTCCGTTTTCTGACTAAATCATCCCACTAGTCAAGAAATCTTCCGTCGTTCCAGCTTCGCTTCGTGCGCTACGC
TAGAATCGCTAGTCGAGTATAGCGGGT

>trans_s_13151AB196794|Glycine max Gm crt-1 mRNA for calreticulin-1, complete cds

TGAGTCACCAGTCTCGTCTTCGTCCTCAACATCTGAGTCAACTGGATCATTCTTGGCTTCCTCCTCTTCTCTTTTC
TTCTCTGCCTCCTCGAATGCAGCTTT

>trans_s_13152AF378047|Solanum tuberosum isolate Potato8-8 retrovirus-like element
nonfunctional reverse transcriptase gene, partial sequence

ACTGCTATTTGGCTTGTGATCATGATTTGACAACCAATTCTCATAACCAATTCTTCAGGTTGTTTGTGTTAGATC
AATATCTACGGTCTGAACCGGTGAAGG

>trans_s_13153XM_001754329|Physcomitrella patens subsp. patens PLC4 phospholipase C protein
(PLC4) mRNA, complete cds

AAACCTTACAACATAACATATGTCCAACTTCTTACTCAATATAGTCTAATTTGATAGATAATTTCTTATAATTCC
TGGCGCCCGCGCCGGAGAGGGCTATC

>trans_s_13154Novel Gene

CTACCACGGACCGGTGAGAAGAATGAGAGAAGCGACTGAAAGTTAAGGAATTATCCCTTATTATTCGACGAA
GGAGCCTGTTTTATATGGATTCTTTTCG

>trans_s_13155AY727495|Solanum ptychanthum PsbZ (psbZ) gene, complete cds; and tRNA-Gly
(trnG) gene, complete sequence; chloroplast

CGTCTGTGACTCGATATCCTGTCTCATCGCAGTCCTTTAACTCTGAGAGTGAGGCTGAGCGAGATAGTCGTTAT
AGTACGAAATCAATAATAGAAAGATC

>trans_s_13156BT000395|Arabidopsis thaliana vacuolar sorting receptor-like protein (At4g20110)
mRNA, complete cds

CTGGAACCGAGCCCATCTGGGAAACCGAATCTTGATTACGACCTAGCCACGGATTGGGTAGATCCTCGGAG
AGTCTTCTCTGAATGCATCCACCCCTAA

>trans_s_13157EF577955|Oryza officinalis chromosome 9 anonymous locus NP40 genomic
sequence

TCCCACCTAAATCAACTTAAATCAAACATAATATCACAGTGGTTGGTATGAAATCGCTCTAACCTTTTAGAAA
AACCCGTTTTTATTCTCGTTTCGGGGC

>trans_s_13158FJ006635|Triticum urartu gamma-gliadin (qp715) gene, complete cds

GTTCAAGGTACTAAGAGGAAGAACAACAAGAAGAACTACTACGACTACAACAAAAACACAGGAAGGAGAGT
TTCTACAAGGTCAGAATGTCAATAGAAAAT

>trans_s_13159Novel Gene

GGCAACACCAATATCAACAGCAGGAAGCAAGACAACATGGTTCGATGAATCAGATTAGCTCAAAGCCGGGAG
CCTCTTTGGTCTCTAACGCGGTCAAGA

>trans_s_13160Novel Gene

TATTTAACAAGCTTCATATAGGAAACCGTTCTATGAACTCTTAAAAACATAAAAGACCTACCTACGTACATCGA
ATTCATTTTCATGCTATAAGCGGGTGC

>trans_s_13161NM_001067212|Oryza sativa Japonica Group Os07g0685600 (Os07g0685600)
mRNA, complete cds

AGAAGCCTAATATTGCAATTCTCTGATCTGCCTCGCGTCCCGATCGACTCTCCGAGCGATGGCTATAGCGTAA
GGAACCTCTGCGCGTATATTGAGAGCGC

>trans_s_13162Novel Gene

CTCCCGAGCCTCGGTGATTTGTAGTTCTAACGCGTAGTCATTACATAACATCAAGATCTCATAAATACTACTTTA
GTGCACGATGAGCCGATTACGTGAAA

>trans_s_13163Novel Gene

GTTTCGGTTTCGGGTACAGGATTTGAACCGGTCCGTGCTAGCTGAATTTCCCATGAGATGTTTTCATCCTCTATC
GATAGTCGGACTGCCACTCTTCGTTGT

>trans_s_13164AY850394|Lycopersicon esculentum cultivar Heinz1706 chromosome 12
centromeric region

GGACCGTCGTTGTTGCCATTGTTTCGTTCCGTTGAATTGGTTTAACAAAGAGGATGGAAGATTGTTGTTGTTGTT
GCTACTGCTGTTGCTATTGTTAGTGT

>trans_s_13165Novel Gene

TGCAACTTGTCTTGTCTAGTAGCCACAGCTGTTGTTGTTGTCCCATGTAGTTTATAACTTTCTTATGCAGTT
CATAAATTTGGAATAAAGTGTGTTTCG

>trans_s_13166AF274165|Acacia translucens trnK gene, partial sequence; and maturase (matK)
gene, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

CCTGCCTTCCCTGAAGCTGACTATAACTCCGTGAACTCTACCGATAGTATGGACGAATCTAAACGTGAACGTTT
CCCTGTTGAAGGTCGTTTCGAGCTTTTC

>trans_s_13167AY106828|Zea mays PCO117720 mRNA sequence

TTTTTTTGCTGATAAATCGGTCCGAAGGTTATGAAATAACGAGACTGAAAGGTGCGAAGCAGCTCGACTAAGA
AGGAGTCCCGTCCACCTTAGATACAGA

>trans_s_13168NM_001063085|Oryza sativa Japonica Group Os06g0104300 (Os06g0104300)
mRNA, complete cds

CCATTGCTTTTTCCCGCCTAAACCCCTATGAGTTTGAGATTCGTAATACTACTGTGTATTTACGGGTAAAGAAG
TAATTGACCCTCTGGATGTTTACAC

>trans_s_13169AY634681|Hordeum vulgare ADP-glucose pyrophosphorylase small subunit gene,
complete cds, alternatively spliced

GGCTCGCGAGCCTCTGCGCGAGGGAGGCGGCGGCGGTGGAAGCTGCCAGAGAAGCCATGGGCGGAGAGGA
TGAAGGATTGAAGGGAGGAAAGAAGAATGA

>trans_s_13170NM_106030|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein (AT1G73710) mRNA, complete cds

GAAGGGACGAAATGGGAGAAGAAGAAGAAGACGATGAAGATTGCGATTGGGATGTGGAACGGTGATGAGA
AAACTTATTGGCCGACGACCCCGTACCTGG

>trans_s_13171FJ070957|Pinus taeda isolate 1271 anonymous locus 0_3563_02 genomic sequence

GAAACAGCGCATAGACGCAAGCCAGTAACATTACCAATGAAGGATAGGAAGTTGTCCATATTCATGTTGTTAT
TATTGATGATGTGATTCCCCCTCGTTCT

>trans_s_13172NM_001063233|Oryza sativa Japonica Group Os06g0132100 (Os06g0132100)
mRNA, complete cds

GAGTACAGATGCAGCGACCTCCAAGAGACCGCCAATCCGACGACGACGACGACGATACTCTCTCTCTCTCTCT
CTCTCTATGGCCCTCCGAGTTCTCCC

>trans_s_13173EF694739|Lobelia roughii voucher Glenny 8699 ATP synthase CF1 beta subunit
(atpB) gene, complete cds; and ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit
(rbcL) gene, partial cds; chloroplast

TGGTATTGGTTTTTGAATTTGAAGAACTTGATTATTGGAGTGCGACTGCGATCTGAGTTGGAGAGGGGAAGTAAT
TTGCTGTGCCCTAGAAGATGGGAGTTC

>trans_s_13174Novel Gene

ACTCTTGCTGGAGTGACGAACAGCAATTTCTGTGTTAAATGTAGTGCTCTGACACGCTCCTTGCTGAATCAAAC
GAGAGCGAAATGAAGACCTGTACTTC

>trans_s_13175AY151271|Glycine max cultivar Wenfeng7 purple acid phosphatase-like protein
(Pap3) mRNA, complete cds

ATGTATCCCATCTTAGACCACATCCATTAAATTGATACCTATCAGCATAAGAGATATCTCCAAGAAACAATACT
GTCTGTGCTCCACTCTTCATATAATGGTTAAGAGTAGAAAGAGAATTAAACGTCTGGCCCAAATCACCAATTAT
CCCAAATTTGTAAGAAGCATCTGGATCAACTTTTGGGGGTGAGCGGAACCAGAATTCTCGAGCAGAATCACCA
CTCCCAATCTTGTAATAATACTTGGTATCATACTTGAGGTCAGCAATAAGACAGTGATGAATGTAACCAGACTT
GTATTTATAAAAAGTGTAGTTTGTCACTACTCCCTCTGCAGTGAACCTCATAACTCCGTCTGATGTACCATATTG
TAACTATTGGGCTCTGGCTCATCACGTGTTACCCATGAGATAATAACAGCCCTGCCTTCATAGTCACCCTGGG
TAATGTGCACCTGTTGGGGGGCATTGTAACCTTGTGGAACAGCAAATACTTCATGATCAAGAGGTATATCAAT
GGATGGCCACTCTGATCGAATAAATGTACTGGTGATCCCTGCGTCGCCAAAGCTCAGAGAGCTAATAAATACG
CAGAAAGCAAATGCAAGCTGAAGAAACAAGGACTGCAGCTTCAAATTTCCCATCATGATTGATGATTCAATCA
ACTGAGAGCATTGTCAGAAGATGCAGGAAGAAGATGGATTAGATGACACCAACAAGAGATAAGGTGGTGCA
GTGGGTAAATCGTTGGGTTGATCGTTGAAGATGAACTTGAAGGGTAGGAACTTGAGGCGTAAAGTAGCAGC
GAAGAAACGATTGATATTGCGTAGGTTAGAACGGCGTTCT

>trans_s_13176NM_121484|Arabidopsis thaliana P5CR (PYRROLINE-5- CARBOXYLATE (P5C)
REDUCTASE); pyrroline-5-carboxylate reductase (P5CR) mRNA, complete cds

TGCATACGCAAAAATAAAGAGAAAAATAAAAAGATCCAAACAAAAAACGAAAAAAAAAGCGAGTTTCGTATCC
TTCAAATGGGATTTTCGCGGTTGAGCCGTTACTGTGGATTTTGATAGGCGCAACCGGTGCCCCGAGAAGAGC
TTTTGATCGGAATCAATGGAGGTCCTTCCCATTTCAATTGATGCATACAGATTAGGGTTCATCGGAGCTGGAA
AAATGGCTAAAAGTATAGCTAAGGGTATTGTCCAATCTGGTCTTTTACCTCCTTCTCGTATCTCCACGGCTGTT
ACTCCAACCCTAGTCGCCGCATTGCCCTCGAATCATTTCGGCGTTAGAGTCCTTCCAAGAACGATAACGTGGTT
GAAGAAAGTGATGTGGTCATTTTATCTGTTAAGCCTCAAGTTGTTAAGAATGTGGTGTGAAGTTGAGGCCTC
TACTCTCAGGGAAGAAGCTTTTAGTTTCAGTTGCTGCTGGGGTAAACTGAAGGATCTACAGGATTGGGCAG
GTCATAACCGATTGTTAGAGTTATGCCAAATACTCCCGCGGCTGTTGGAGAGGCTGCATCAGTTATGAGCTT
GGGAGAAGGTGCAATAAAAGAGGACGGACAAGTCTAGTAAATTATTTGGATCTGTGGGTAAAGATATGGG
AAGCTGAGGAGAAATACTTTGATGCAATCACTGGTTTGAGTGGAAGTGGACCAGCATACATTTCTAGCAAT
TGAAGCTTTGGCGACGGAGGAGTTGCTGCAGGTCTACCACGAGAACTTGCAATGGGTCTAGCTTCTCAAAT
GTATTAGGTGCAGCCTCCATGGTGACTAAACTGGGAAGCATCCA

>trans_s_13177Novel Gene

ACTCCGGTTCGAGATGAAGTCCCCAATGGTCTCCTCCGTCGTTTCATCCGTCGTCGGAATTGCTTATCCTCTCTCT
TCTTCTTACCTCCGCCTTCCGACGGCCTATTACTGATCGGAATCCACACTCTCTCCTTCGCCGAGCGTCAAATG
AAACGGCATTTCATATAATCTTTACTCTTTTTTTGTAGATCTCAGTCTCTGAGTTAAGCCACTGAAGATTAAT
CGAAGACGAATCAGGCAAGCCGAGTTTCGGATTTCTATCGATTAGTTTAATTCTTGCGAATTCATCAAAATGAA
ACCTAATTGGGAGCTTAAGCACTGCTGCAATCACGAGCAAGTTGTGTTTCTGATCACCGTTTCTGTTGTACGG
TTGTTATATTAGCGCTCTGGAGGACGATACTGCTGAAACCATTCAAACCTGTCACCGTGTTTCTTCATGAGGCC
AGCCATGCCATTGTTTGCAAGCTTACCTGTGGTCATGTAGAAGGAATTCAGGTTTCATGCGGACGAAGGTGGTG
CTACGCAAACACGTGGTGGCGTGTATTGGTTGATCTTACCTGCCGGATATATTGGCTCATCTTCTGGGGGAT
GCTCTTAATACTAGCATCTACAAATCTTCTTACTTCCAGAATAGCTGCTGGGTGCTTCTTGTTCCTTCTTGT
GTACTTTGTGTAGCTAAGAATTGGACACTTCGCGGACTCTGCATTGGATTTCATCGTTTTTCTTGGTGTCTCTG
GGTCTGCAAGAAAAACAAAAGTGCCTGTTCTACGTTATGTAATCCTCTTCATTGGTGTAAATGAACAGCCTAT
TTTCAGTTTACGATATTTATGATGATCTA

>trans_s_13178NM_121886|Arabidopsis thaliana SCL28; RNA binding / nucleic acid binding /
nucleotide binding (SCL28) mRNA, complete cds

ATCATGTCATGGGTGGACGTTTAAATCTTGAAGCGGTAGGGTTTAGGGCATGATTTTATCTCCAACCCGATCG
TCTCCTTCCCTCCCTCCAAAATATTCGAAGCCCATCATTAGACTCATTTTCTTCTCCCAAATTCCTATTAGGGTT
AGGGTTCTCACTGCTTCAGTTTCCGAGTAAGACACGCTAATAACCACTATGGCGAGGTACCGGAGCCGGAGC
AGAAGTTACAGCCCTCGCCGGCGTAGTAGAACCCACACGCGGGCGGAAGAGGTATGACGATGACCCTCGA
GACCGTTACCGCGAAAGCAGGTCTCATAGGGACCGTCGTTCTCCTGCTCCTTCTGGGTACTCGTGCGTAATCT
TCCGCTTGATGCTAGGCCTGAAGATCTTAGGATCCCGTTTGAGCGATTTGGTCCTGTTAAGGACGTGTATCTGC
CGAAGAACTACTACACTGGGGAGCCTCGAGGATTTGGATTTGTGAAGTTTCGGTTTGCAGAAGATGCGGCTG
AAGCAAAACAACAGCTAAATCATACAGTTATAGGTGGACGGGAGATACGAATCGTATTTGCTGAGGAGAACA
GGAAAACCTCTCAAGAAATGCGTGTGACGTCACGCTCAAGTGGTAGAAGCTACAGAAGACGTTCTCCAGCAA
GGTCTCCGAGACGGCGATATCGTTCTTACTCGCGCTCACCTTACCTGCCAGGCACGACTCAAGGAGCCGTGG
GGCAAGGGATGAGTATCTATCTCTGCACGATCGAGATCAATTCACATTCTCGTTCCCCTCGTGATAGGCAG
GATTACAGCCGATCTCCTACTCCAAAGATAATGGTCGCAGCC

>trans_s_13179NM_100866|Arabidopsis thaliana TRAF-type zinc finger-related (AT1G09920) mRNA,
complete cds

TTCGTGAAATTCATTCACTTGATTACAATTTACAAGTAGTTGAATCCAAGTCGGTCGGTCTTCGTTCTCCAAACG
CCATCGATCCACGGCTACAATTTCTAGCGCTTCAATTCTCCATCCCCTAATTTTGACATAATCCGACATTCAGGG
ACGATCGTCTTCCTCCGTTCCGATGGCTGTTGCATCTGAAGAGACCACAAGCATATGCAATCACTGCGGAAG
AGATATTCCGTCATCAAATATCGATCTGCATTCTGTTTCATTGCGTGAGGAATCTTGAAAAATGTAAATATGCG
GCGATATGGTTCCTAAAAGACATGCGGAAGAACATTTTTGAACACACATGCGCCAGTTTCCTGTTGCTGTGT
AGCGAGACCATGGAGCGGGACATTTTAGCAATTCATAAAGGTGAGAATTGCCCCAAAGGATTGTCACTTGC
GAGTTCTGTGAGTTCCCATTTGCCAGCAATAGATTTGGCTGAACATCAGGAAGTTTGTGGTAACCGGACTGAAC
TTTGTCTCTTTGTCGTTGTTATATAAGACTACGAGAACGATATAACCACGAAAACAATTGCAAGGGTATTGTA
CCTGCTGATAACATTGCAGAATCTTCCAGGGATGTGGGGGCAGCACCAGAAAGAGATCATCAAGCTAGAGAT
CGAGGTGCTCAAAGAAGACAGCCACAGGAGTTTCTACTCGTCGTTTATATTCACTATTGCAATAACTGGTAT
TGCCGTTCTATTAGGATCCCTATTTTTCCAGAGGAAGAGCGAGAGCAACATCGTACACTGATTACCACATAGTC
CTACAGAGTGGAGAAATGGTCTCCATGNTAAAAAA

>trans_s_13180NM_101126|Arabidopsis thaliana oxidoreductase family protein (AT1G12550)
mRNA, complete cds

AGCCACAAAAATTTATGTATTTTGGTAAGAGCAGCGCCTTACCCAAAGCCAAGAAGAAGAAATGGAAGAAG
AATCCGAAGGCCATGGCAAAAACCTTCATCAAGTTTTGGTTTTAGGTTCTCCATGGGTATTACCCGCTCTCCGA
TCTCAATTCTCAAACCGATTCCATTTCTCATACCATCTCTTCCGATCTCCCTCTTCTCAATTCCTTTCTTCTAT
GCCAATCCACACAGGCCTTACTCATCCCCGGCGGCTGCTTCTGGTCACCTCCGCCGTCTCGATTGCCTTCC
GGCGCTCAAGCTCCTCGTCACTACTAGCGCCGGTGTGGACCACCTCGACTTGCCGGAGTTACGCCGCCGTGCGG
ATCGGTATTGCCTATGTTCCGGACTTGTAAGATGTCGCTGATCTTGCTGTTGGATTATTGATTGATGTT
CTCATGAAGGTTTCGGCGGGAGATCGGTTCTTTAGGCTGCGGCTTCCGCCTACTACCAATGGGGATTTTCTCCTC
TTTCCGATTAAAGTTAAATGGGAAAAGGATTGGGATAGTTGGCTTGGGGCAAATAGGGTCCAAAGTTGCCAA
AAGGCTGGAGGGATTGACTGCAAAATCTCATATAACTCAAGGACCAAAAAGCCATTAGTTCCATACTCATTC
TACTCCAATGTACATGAACCTGCAAGCAACTGTGATGGCCTTGTAATTTGTTGCGGGTTAACGAAAGAAACCC
AACATATGATCGATAGGGAGGTGATGGTTGCATTAGGAAAAGATGGAGTGATAATCAACGTTGGTCGAGGG
GCGATAATCGACGAGAAGGCGATGGTTGAATGTTGA

>trans_s_13181AJ577264|Quercus robur partial mRNA for expansin-like protein (ORF1)

ACTCAAATCCTTTTAGAACAAAATGCCTTTCTTCTCCTCCTTCTTCTCCTCTCCCTTTTCTCCTCAGCCACTGCT
TGTGATCGTTGTATTCATCAAGCCAAAGCCGCTTCTACCAAGACGAAGCCGCCGGTCTATATAGAGGCGCTT
GTGGCTATGGCGATCTTACATTACAGCTCTCAAATGGCTACTTCTCGCCATTATGCCTCCTCTTTACAAGTATG
GCGCTGGCTGTGGCGCTTGTTCCTCAAGTAAGGTGCAAGAACGAGAAGATTTGTAGTAAAGAAGGGACGAAA
ATTATTGTAACGGATCGAAACGACAATACTTATACAGGATTGGTTCTTAGTCAGAAAGCTTTTGGTGAAATGG
CTGTGAGTGGAAGATGGATTGCTTTGAGTTACGGAGTTGTGGATGTTGAATTCAAGAGGATTCTTGTGA
ATACAATAACTTAACTTGATGGTTAGAGTAGAAGAATGGAGTCAATATCCAAATTACTTAGCTATTAAATTGC
TTAACCAAGGTGGCCAAACCGAAATAGTAGCCATCGATATAGCTCAGGTTGGTTACTCGAATTGGGATTACAT
GGGTAGGAACTACGGTGCTGTGTGGGAGACTAAAAAACAGCTCCAAAAGGACCATTGCAATTACGGTTCGT
AGTTACTTCTGGATATGATGGCAAATATATTTGGGCTAAACACGTAATCTCCTGCTGACTGGAGACCTGGACTA
GTTTACGATACTGGAGTTCAAATCTACGACATTGCTAAAGAAAGGTGTCCAACAGAACAGTGTGGCGATGGA
CAATGGAAACGACGATAGATAAATCACGACTCAACTCCTC

>trans_s_13182X79365|C.sativus MFP-b mRNA

ATCTCCCTGAAGCAACAGATCTTCGTTGATCTTGAGAAATATTGCCCTCCACATTGCATACTTGCTACCAATACG
TCCACAATAGATTTGGATCTGATTGGAGAGAAAAACAAAATCTCATGATAGAATTATTGGAGCTCATTTTTTTAG
TCCAGCACACGTCATGCCACTATTGGAAGTTGTTCTGACTAAAAGGACAGCTCCTCAAGTAATTGTTGATTAG
TAGATGTCGAAAAAGGATAAAGAAAAACACCAGTTGTTGTTGGCAATTGCACTGGTTTTGCTGTCAATAGGAT
GTTTTTCCCATATACTCAAGCTGCTTTGTTACTTGTAGAACATGGAGTAGATCCATATCTGATCGACAGGGCAA
TTTCTAAGTTTGGAATGCCAATGGGTCCCTTCAGATTGATTGATCTTGTTGGTTTTGGGGTAGCTATAGCAACC
GGTGGTCAGTTTGTTGAGAATTTTCTGATAGAACCTTCAAATCTATGATAATTCCTCTTATGCAAGAGGATAA
GAGAGCAGGTGAGACAACTCAGAAAGGTTTTATCTCTATGACAAGAACCGCAAGTCTAAGCCAGATCCTGA
GTTAAAGAAGTATATTGAAAAGGCTAGGAGCATGTCTGGCATTCTGTAGACCCTAAGCTAGCGAAATTATCA
GATAAGGACCTCATCGAGATGATATTCTCCCTGTGGTGAATGAAGCATGCCGTGTACTCGCCGAAGGAATAG
CCGTCAAAGCAGCAGACTTGGACATCGCCGGTGAATGGGGATGGGTTTTCCACCTTACAGGGGAGGAGTGA
TGTTTTGGGCTGATTCTCTGGNATCAAATACATATAT

>trans_s_13183AB027000|Solanum tuberosum PCAS-1 mRNA for beta-cyanoalanine synthase,
complete cds

TCACAATAAGTTTGCTTTGTTTTCGGGTAATTCGCAAGTCTGAGCGCAGCGACGGTATTGGCTCCGGATGAT
ATTCCCACCATTAGTCCTTCTTTACTGCTAGTTCCTAGCCATGTTTACAGCATCTTCACTGCTTACCTGAGTAT
TGGCAGGGTTTGAGAATTGTTGGAGCATGAAACCATTAGGTGTGGATTCCAAAAGATCATAAGCACCCCTGA
CAGTACCTCCCATGCCTTTAGTTGGATCCGTTAAATCAACTCAGCTCCAAATGCTCTCATTGTAACCTCTCCTCT
CCAAGCTTGTATAAGAAGGCATGGTTAGAACCATTTTGTAGCCTTTCAGGGTAGCCATAAATGCCATACTGAT
GCCCATATTTCCCGACGTTGGCTCAATTAAAGTCGTCTGTCCAGGAGCAATCAGGCCTTTCTTTTCAGCATCGT
TGATCATCGCGAAGGCCGGTCTGTCTTTGATGCTGGAAGTAGGCTGCATCATTTCTTGCTTAACAGCTATGTAA
GCTCCACAGCCCTCAGTGACTTTGTTAAGATATACCAATGGAGTTTTCCCAATGAGATGAGCAGCATCTCGTCT
AACACTAGTTCAGGAAGATCCTTAGGCAGATCTCTAAGTCTCTGAGCGAAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGA
AGAAGAGTCAAGAAGTGTGTTGGGTGGAGAACAATTTCTGACGGTCGTCGAGCAACCGTCCGATGAAATCCC
TGCCTTCTGCTTCACCAAACCTCTTAAAGCAGCGGCAGCCATTGATGTGGATTACAGGACCGCTGCTTCTTAGG
AGAAATTAAGAGAGAAGAAGATGAGATTGGGAGTGTAT

>trans_s_13184NM_120653|Arabidopsis thaliana pleckstrin homology (PH) domain-containing
protein (AT5G05710) mRNA, complete cds

ACAAGATCCCATTTCGAACCACATTCGGGCCTTGAGGCTTCAAAAAATCGAAGGAAAACACTCTCTGTATCTCT
CCCCTCTACCCACCGATTCCGTCGCGGCCGATGAGCTCCGGCAGGATGGAGAGCCTATGGCGAGCGGCGACC
GGCCAAGATCCGAGTCCGGAGGATTACAAAGGCGTCGAATTCTGGACCAGCCCCGAGCGGGCCGGCTGGCT
CAACAAGCAAGGCGAATACCTAAGAACCTGGCGTCGCCGTTGGTTCGTTCTGAAACGAGGTAACTCTTCTGG
TTTAAGGACTCCATCGTTACTCGCGCTTCAATTCCACGCGGTGTTATCCCTGTTAATACCTGCCTCACCGTCAAA
GGAGCCGAGGATATCCTCCATAAGCCTTGCGCCTTCGAGCTCTCTACCACCGGTCAAGACACTATGTACTTCAT
CGCTGAGTCGGAGCGCGAAAAGGAGGAGTGGACCAATTGATTGGGCGCTCGATAGTTCAGAATTCGCAATC
GGTTACCGAATCCGAAGTTGTTGATTACGATAACAGGCGATGATTCCGATGTTGAAGATCTTTTCTTCGTCGTC
TTTTTCACTTTCTCTATGTACATAAATGAGGCGAGATTTAGTCTTGATGGTTGCGAGATGGCTACGTTTCGTC
GAATTGGTACTATCGATCTTTGATTCTCTTTCTGGTTGTTCAAATTATGGCGGTGATGTGAATCGAACTGAAT
CTCCCTACTCTCGTTATCTCTTACTTCTAAATCATCTGTACGCATATAAACATCTATCTTACCCCGATTTTCTCT
GTATTTGAATCTCAATGTGGGTAGTAAATTCGT

>trans_s_13185Novel Gene

TCCTTCATCGGATTATCCCTAACCATCGCCATTCTTCACTCTCCACACCCTCACTAACTCTCTTCTAGCTATGGA
GGTCACTTCTTTCTGTAGCAGCAGCACCAGAGCAGCTTCCTTCATCTACTCATATCCTTCCACAACCACTTCAAG
AAGAAAACGCCCTCTTCATCTTCATTCCATGGCTGCCGAGAAACCTCCCCCTCCGCCTCTAAAACCGTCGGCT
CCAAGAAGATCAACACAACGGTGTTCCCTCTCGGCGAGAAAGGCCCGAGGAGTAGCATCTCGCTATCGACTTC
ACCGCCGATTAAGCTACTGACGAGGGTGGAGCAATTGAAGTTACTAAGCAAGGCGGAGAAGGCTGGGTTGC
TATCTGCGGCGGAGAAGGCCGGGTTGTCTTTGTCTTCGATTGAGAAATTAGGGCTTCTCTCGAAGGCTGAGG
AATTGGGGGTTTTATCGGCAGCGACAGATCCAGGAACCTCCCGGTGCGTTGCTGAGTTTAAGCTTAGGGCTGTT
GTTATTAGGGCCGTCGTGTGTGTATTTGGTGCCGGAAGATAGTGTGGGAAATCGTGTTGCAGGTGGCGGT
GGCTCTGGTCTCCATCGTCGGCGGTTCCGCGGCTTTTGCCGCGTCGAATTTGGTCTCAAATTTGCAAAGATCGA
ATTGAAATTCAGTGTTGGAATTTGTTAATGGCAGCCATGGTAGTTGTAGTTATCACTATCAGCTTTCCTTCTCCT
TCCATGTCGTCGTTTTGTATGCTGTAACATTGAATTTCAACAATTTCCCGGCGAGTTAAAATGGCGAAATGTG
AACGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13186XM_002302114|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC029),
mRNA

TCCTCACTACTTGTTTTGACCAAACAACCTTCACTCCCCCTCATCTCTCTCCCTCTCCCTCTCTCTAGGGCGGT
CTTTGACCGTCTCCGGTGATCGGACATCTCAGCTCCGTCCAATTTCAACTGGGGTTTTGTAGATTCATCGATT
TCGGAACGAATTTCTTACCGTCGCTGTGATTTTGTCCGAGGATTCGAGCCTTGGTTTCTCATTTTGTGATT
CGTGGTGTTCTTTGATGTCAACGGCGTCGTCTCGAAGGGTTTGTGTGACGAGGGAGATTGGCCACCAGGGT
TTCGGTTTTACCCGACGGATGAGGAGCTGATTCTGTATTACTTGAAGTTCAAGATCTGTAGACGCAAATTGAA
GCTTGATATCATCCGTGAGACCGATGTTTATAAGTGGGAACCCGACGAATTGCCTGGTCAATCTAAGTTAAAA
ACTGGTGATAGACAATGGTTCTTTTTCAGTCCTAGGGAACGTAGGTACCCAAATGCATCAAGATTGAGTAGAG
CTACAAGATCTGGCTACTGGAAGGCCACAGGAAAGGATCGAATAATACAGTGCAATTCACGTAATGTTGGAG
TGAAGAAGACACTGGTGTTCTATCTAGGTCGTGCTCCTAATGGTGAGCGTACTGACTGGGTTATGCACGAGTA
TACCTTGGATGAAGATGAGCTTAAGAGGTGTAAGAATGTAAAGGATTACTATGCGCTCTACAACTTTATAAG
AAAAGTGGACCTGNGCCAAAGAATGATGAGCAATATGGAGCACCATTAGAGAAGAAGATTGGGTTGATGA
TGCTGATTGTCTGGAGCCACAAGTGA AACAGTTGATGA

>trans_s_13187AB030296|Arabidopsis thaliana AtABA1 mRNA, complete cds

ACTTGAATCATGAATGGGGAGGCCCAACAGCTACATAATCTTTCAACGGACCACCCTCAACAGACTATCGGAG
CCCAGATATCTTCGCTTACCGTTTATTCTTTTGCCGCCGGCCGATAAGATGGATTACGTCCTCCCAAACAACC
GTATTCGTAATCTGAAAGATGGCTCTCAGCACCGTGACCTTCGGTCGAAGATTTTCCAATTTCTCACAGGCGTT
GGCAAGTTTGCCGTGGACTCTACCATCTTCAGCTCTCTCAAGGCCGTCTCCGGTAAGAATCAGGTGCATAAGA
TTAGGCAGGGAGGGTTAAAGGATACGCCCCATTATCATCTTTGAATGAAAGGAAACCAGAAGAGGTTAAAC
TAGTGATGGATAAGATGCAGGCAGAGATGGAGGAAAAAGAGGGAAACAAGAATAAAATGAAGCAACGCCA
ACACCATTGTACATCTGCAGAGATTGTTGATGATGACTCTGAACCACTGAAGAAGAAGCCAGGGGAAAGTGA
CAAAGGATCAGCCAACGTAATTCAAAACAAGAAAAGGATCTTCATCCGTTCCCGACTATAGACACAATCCAGT
TCATTATTATTGTATTGTAGCATAATATAGCAAGAATAATGGATTCCTTTCTTGACAAGGTATGTAAGTTGTACT
TTGTAGATAGAGACTTTTATTACATTATCATAAGTTCTAAAGCAAAGCTATGCATCCTATATTTTCATGGATGGA
ATTCCTTAGCTTAGCAAGTTATAAACAAATTCCTCTCTTGTGGAAACAAAATAGAAGTTGATTAGGTACAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13188AY899302|Gossypium hirsutum non-symbiotic hemoglobin protein mRNA, complete
cds

ATAAAACAACTAAACAAAAGAAAACAGAGACATGGGAAGTTGTGGAGAAGGAAAAGTTTTCACTGAAG
AACAGAAGCTCTTGTGATCAAATCATGGAGTGTGATGAAAAAGAATGCTGCTGATTTGGCTTTCAAATCTTC
CTCAAGATATTTGAAATTGCACCGTCTGCTCAAAAAATGTTCCCTTTTGAGAGACTCAAAAGTTCCATTGGA
GCAAAATCCGAAGTTGAAACCTCATGCTTTGAATGTCTTTACTTTGACCTGTGAGACAGCCGTTCAACTTCGAA
AAGGTGGCATAGCAGCTGCAAAAGAACTACCATAAAAAGGCTAGGTGCCACTCACCTCAAATATGACGTTCT
TGATGAACATTTTGAGGTGACAAAATTTGCTCTTTTGAGACAATAAAGGAAGGAATTCCAGAAATGTGGAGT
GTGGAGATGAAGGGGGCATGGGCTGAAGCTTATGATCAATTGGTTTCTGCCATTAAAGCTGAGATGAAGCCT
TGATCTTCCACTTCTCAATAACCTAATTAATCTCTCAAATTCACGACCTCGTTTTATGTCATCAACTTCATAAATG
CATTTGTTCATAAACATAAAGTCTTGTTTTTCTTGTTTTTTTTTAAAAAATCATAAGCTTTCATTATTAGATGT
AATTTTCAGTTTGGTTACAAATTAATTAATCAATGTCATGTTGAATGTTACATATGAATCAACGTCTCACGTCGT
TGAAGATAGAATTACGATATTTATATTATTAAGAAATGGTAATTTATTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13189NM_001051753|Oryza sativa Japonica Group Os01g0920200 (Os01g0920200)
mRNA, complete cds

ATCGTCGTCTCCAGTCAGCTGTTCCCTCGCGGTGTAGTTGGACGCGCTGTGTCGCCGTGAAAGTGAAATTTTTT
CAACAACAATCTCTAACATAATCTTTGATAATTGAATGAGGGCTTCTATTAATCGGCCTCCGACGCCTGAACC
GGAGGATGATCGAGAACACCAACCCACTTTTCAAGAATCAATCAACATCAAGCTGATTGAAAGTGGTGAGAA
AGAGCGGCTGAAAGAGCTCTTGAGAGAGAGGCTCATTGAATGCGGCTGGAAGATGAGATGAAAGCACTCT
GCAGGGCATATGTAAGGAAGAAAGGAAGGAACAATGTTAGTGTTGATGACCTTGTGCAGGTCATTACTCCAA
AAGGCAGAGCCTCAGTTCAGATTCAAGTGAAGCCGAGCTGCTGCAGCGCATCCGATCCTTCCTTGATCAAC
AGCCATTTAACATACAGAGATGACTACAAGCTGCAGAAAAGTATCTCCTTCATATCCTTACTAAACCGGCTAA
AACCAATTAATCTATACCTATAAAATGAATTTGTTTGAAGTGTGCAATTTTATCGATTCTGTTGGAGAATCCAA
GTCAAGTTCATCTTCAGGTTATGAAGAATGTCGATTGTGTAAGCTCGCAGTCAACGAGAACC GGTTGGTG
AGTGTTTTTGTGTAGAATATGCATGTAAAAAGCTAGCTGTATGAGATTTATGAAAGACTCTCTAACTTTTCATG
ATAACAAGTCTGTTTTTACTGAAAAATTGGTCAATCGTAACTCTTGGTTGGGTCTACTTCAATGGCATATTATAT
ATTTTTGGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13190XM_002892957|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L6, mRNA

AAAAATTTAATAATTTTCCCTCTAGGGCTTTTGGCGAGCAGAGGAACGAAGACTTCCGGTGCCAAATTCTCAG
AGGTTTCATCAATGGCTCCGAAGACAGCAAGAGTTAGCAGAAATCCTGAACTCATTGAGGGGTTGGCAAATA
CTCGAGGTCAAAGATGTACCACAAGCGTGGTCTTTGGGCAATCAAGGCCAAAAATGGAGGTATCTTCCCTCGC
CATGATGCCAAGCCTAAGGCAGATTCTCCAGCTGAGAAGCCACCCAAATTTTACCCTGCCGTTGATGTCAAGA
AACCACTTGCTAACAAGCGCAAACCCAAGCCACCAAACTTAGGTCCAGCATTACTCCTGGAACCGTGCTGAT
CATTCTTACTGGAAGGTTTAAGGGAAAGAGAGTTGTGTTCTTGAAGCAACTTCCATCCGGGCTGCTTTTAGTG
ACTGGGCCATTCAAGGTCAATGGTGTTCATTGAGGCGTGTGAATCAGTCATACGTGATTGCAACCTCCACCA
AGGTGGACATTGCAGGAGTCAATGTGGAGAAATTTTCATGACAAATATTTCTCCAAGGAAGTTCAGAAGAAGA
AAAAGAAGGGAGAAGGAGAATTTTTCGAGGCAGAGAAGGAGGAAAAAAGTGCCTCCACAGGTGAAAAA
GGATGATCAAAAGGCCGTGGACTCAGCTCTGCTAAAGTCCATTGAGGCAGTCTCAGACTTAAAGACATACTTA
GCTGCAAGGTTTTCTCTAAAGGCAGGCATGAAGCCACATGAGCTTGTCTTCTAGATATTTCTGTTTGGTTTCT
GATACTTCTCTTGTGGAATTTNGATCCTATAATCTTCTTGTTCA

>trans_s_13191Novel Gene

TATCAAGAAAGGCAACCTTGTTATTTCCAACGCCGGTGATTGTCGTGCCGTTCTCAGCAGCCAAGGTGTTGCC
GAGGCCATCACTTCCGACCACCGCCCATCCCGGGAAGACGAAAGGCACAGGATCGAGTCCACGGTAAGAATT
GAATTGGTAGATGATGATTCCATTAATTCATTAACAAATTAGCCTTTGTTCAATGTTGATGGAGTGATGATATA
TGTGAAAATTGAATTTGGTGTACTTTTTTTGGCGTGTTCTATAGGGTGGATATGTTGATTTGTGCAATGGAATT
TGGAGAGTCCAGGGATCTCTGGCTGTAACAAGAGGAATTGGGGATGCTCACCTCAAACAATGGGTGATAGCC
GAACCGGAGACAAGGGCAATTCGTATCGAGCCACGACACGAGTTCTTGATCTTGGCCTCAGACGGATTATGG
GAAACGGTAAGCGATTAAAACCCGAGTGTGATCCATTAATCACAAAACCTCCTCATTGAAGACAACATA
CTAAACCATATTGTTATTTTCTTTTGTTCAGGTGAGCAATCAAGAAGCAGTTGATATTGCACATCCGTTGTGTGT
AGGAATGGAGAAGGCAGAGCCATTAATGGCTTGTA AAAAGCTTGTGGAGCTTTCACTTCAAGAGGTTCACT
TGATGACATTAGTGTAGTACTAATTCAATTGGCTAACTTCATCTAATTTGGTATTAGTTTTAGTGTAATATTTAT
AGTAGAGAGGATGATAATGATTTTGATGATGACGACGATGCTGCTGCTGCTGCCTGAAAATTTGAACTAA
CCCCATAATTTTAATGAGAATANGGGGCTGATGGGAGGG

>trans_s_13192XM_002892268|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleotide binding protein, mRNA

TCCACGATTTTTCTCTCTCGTCTCTCCCGATTCTGCTCTCCCTTCACCGCCAATATCGAAGTTTTCAGCGTCGATC
ACCCCTTTCTCCGCCGCTGTCATAGTTGTTGATCTCCCTCCGTCAGTGAAGATGCGCATAATCTAGGCCAGAA
ACTCACGGATACCAAAATGATCTGAATGCTTGTTTGTCTTCATGGTGAATTTTTTCTTTTTGTTGTGTCTTGT
AGTTCTTAATCTTATTTTACAGTATGAACAATTAGGCTAACTCCTTTAATGGCCGTATTAGATCTCTTATTAGAG
ATGGGATCGGCGAAGGATGAGCAATTTCCATGTTTGAGGAGAAGGTAAAACGGACTGTGTATGTTGATAAT
CTCTCTCTCAAGTAACTGAACCTGTTTTGAGAAGTCTTTAGATCAGTTTGGGACTGTGGTCAATGTCCATTTT
ATTCCAAATTACACGGAGCCAATTAATAGCTCTCAATGTGCTCTAGTGGAGATGAAGGATTGAAGGAGGCG
AAATCTGTGATCGCCGTTATAGCTCAATCCCTTTTCATGATGTCTGGAATGCCGAGACCGGTGAAGGCTCGCCC
TGCCGAAGCAGAAATGTTTGATGATCGTCCTGTAAAGCCTGGTAGGAAGATTAGCTTTAGATGGCTGGAAAG
TGATGATCCTGATTTTGAAGTGGCCAGACAAATCAAGCGTCTTACGAAGAAACATGTGGCTGAAGCTGCATTT
TTGCTCAAGCAACATTTGGCGGAAGAGGAAAAGCTTGCAAAGCAGCAACAAGAAACGCTGAGAGGAACTA
CAAGAAATATGAGATTGTAGATAGGGAATGGCCG

>trans_s_13193NM_123544|Arabidopsis thaliana CIP1 (COP1-INTERACTIVE PROTEIN 1); protein
binding (CIP1) mRNA, complete cds

AAGAAACAGAAGGCCTAAAAAAGAGGTGGCAAACCTTGCAAACAACCTCAAGATAAGAAAGAAAGAGAA
TCAATACTTGTAGAACAAGTTGAGAAATTGGAGACTAAGGTCAACAAGGAAGGATCTGAGAAGGATGGATTG
GTTCAAGCAATCCACCAACTTGAAAAGAGACAGAGAGAACTAGAGAAGATGATGGAAGAGAAGAATGAAGG
TATGCTGGGCCTGAAAGAGGAGAAAAAAGAAGCGATAAGGCAACTTTGCATGTTGATCGAGTAACACCGTAA
CCGCTATGATTTTCTCAAAGATGAGGTCTTAAAGCTGAATGTTAAAGGAGGCCAGAGTGTAAGATAGTATGTA
AACAAACATAATGGAGATTATTCGAGAAATAATAAAAGATAAATTGTAGAGAAATGAGAAAAAAAAAAGGCA
CCATGGATTGTGGCTCCTTGTCATAGGCATTATGTTGGTGGATGTGAAATTCCAAGATAACCCTAATTTTATTAG
GGTAATTGAGGATTTATTTTCTTTTCTAAATGCAAATTCTCTATATTCAAAGAGAGAGTTTGACATTGTATAGC
TAGTCATAAAATTGCATGAAAAATCCCTAATTTTGGCTAGGGTGATGGGGACCTTTATGTAGAAAGCAAAATT
TGTCATGCACTAGAGGATTTGGTAATCCTAGAGGAAGACGTAGATTGGTCGAGATCAAGACCTAGTCACATC
GAGAGAGTTCATGGAAGATCTAAAGAACATGGGGAGATGGCTTGAGAAATTAGATTATATTGAGTATTCTTTT
CTTTTGTACATTTATTTTGTATTATAGGATTTGTTGTAGATTTT

>trans_s_13194NM_124094|Arabidopsis thaliana ERF5 (ETHYLENE RESPONSIVE ELEMENT BINDING
FACTOR 5); DNA binding / transcription activator/ transcription factor (ERF5) mRNA, complete cds

AATTCAAATCCTAAATTTTTTTCATTTCCAATTTCTTCAATTAATCTGTTTCTGATTTTAATGGAATTCGTCAAT
CTCGAAGAAGCCGTTGCGTTGGAGAGTATCAAGCTTCACCTTCTCGGCGAACTCTCTCCCTTCCCCAGAATTTT
ACCTTCCGACGATGATAACCTTTGTGTTTCATCGTCTGACCGTCGTTCCGGTGAGTTCTGGTTCTTCATCCACATC
GAATAATTGCGTTCCTAACATCTCTGATTACTTTAATTCCGATGAAATCTTGAATTCTCCCCTGATTTGATGCC
AACCGAGTCGTCGTCTATGTCGTCAAACGACGATTTCTTTGGATTTGAGATGAAACCTAACGTAATCGATCTAA
CAACACCGAAATCAACTGAGTTAGTTGAGTTTGAGACGAAACCTAGAGTTTTTGAGGATTTTAATTCGAGGAC
TCAGTATAGTAATAGTTTCGATTGAAGTTGAATCGAAGATTAGTCAGGTAGCAAATTCGAATCGGAAACGAAC
GAATTTGAAGATCTCCCTTCCGAATAAAACAACGCAGTGATCAATTTTGATTCGGCGGTGGAGAAGAAGAAT
CCGGTTGTGGTACAACAGAGGAGTAGAGATGTTGAAGCGGAGAGGAAAGTTCATTACAGAGGTGTTGACA
AAGGCCTTGGGGAAAATTTGCCGCTGAGATTAGGGATCCGAATCGCCGTGGTTCTAGGGTTTGGCTTGGAAC
TTTTGAGACGGCGATTGAAGCGGCGAGAGCGTATGATCGTGCAGCTTTTAAGCTTCGAGGATCTAAAGCGAT
TTTGAACCTTCCGTTGGAAGCTTCGAATTCTTACTC

>trans_s_13195AM233530|Citrullus lanatus chloroplast partial mRNA for red chlorophyll catabolite
reductase (rccr gene)

TGTGGAGTATTATGAGAATAAAAACGGCACCTCACAGGGCACTCTTCTCATTTCGACATGGCATTCCATCTTCTC
CGATTGATTTTATGATAGCAAGTTGGTTGCACTTAAAGCAACCACAAGGTGGCGCATTCAACATAACCAACAT
TGCTGGCTACATGAAACCCTCAAATGACATTCTCATTTTCAATTCGAGTTGGTTCAATGTAGCCCTACTTTTCT
CATCTTCTTTCTTGACTTGCTTCTCAAACCGATATCATCTCCACCCCGACTACCTTACCACCTACTACGAGGA
GACCGGCCTCGAGAAGCTTCGACAACGACTTGCCGCCTTGCCAGAAGTGAGCCCTTACTTCTCGTCGTCGCTCT
ACTTTCGTAAAGTCGTTTCATCGACGGGAATTTTGGTGGGTGTGAAGTGCGAGGAGAGCGAGTCCAAGCGAG
TGGAAGAGATTGTTCCGGGAGGAGATCGGTCCAATCTCGAAGGAGGTAATGAGGATATGGATGGAGTTGTGC
TTGAATGGAGGAAGAGAGCTTGAAGAAGATGAAAGAAGTTTGATGGAGAAGAGAGATCTTATGATTAAGAG
GAAGGCGATTGAGATGGATTTGAGCAAAAGCATGCCTTTGCAATTTGGAGAAGAAGTTGCAATAGAGTTCT
TCAAGTTATTAGAAGTGCTTTCAAACTGCTTAATATAATGTTTGATTATCTTTTCCATACAGGCTACTCTGTTTT
TACAGCACCTTTTTTACGACGAGTATCTAATATCAGTACCAAACCTTTTAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13196AY187626|Solanum tuberosum Erwinia induced protein 2 (ei2) mRNA, complete cds

AAACCGCTACACCAAATCAATATCCTTCGCCTCCAAGAAAAGCATCCATTCAATTTCAATTCACAGATCTATCT
ATCAATCTCACTTACTCTTTTTCTTTCTTCTGATCTACATCAATGGCGTTGGAATGGGTCGTTCTTGGCTACGCC
GCCGCTGCCGAGGCAATCATGGTCCTCCTATTGACCCTCCCAGGCCTCGATGGTCTCCGGAAAGGCCTAATCG
CCGTCACTCGCAACCTTCTCAAGCCATTCTTTCCGTGCTCCCTTTTGCATCTTCTTGCTCATGGATATCTATTG
GAAGTACGAGACTCGCCCCACTTGCGAATCGGACTCATGTACCCCATCTGAGTACCTTCGCCACCAGAAATCG
ATCATGAAGAGCCAACGCAACGCGCTCTTGATCGCTGCTGCTCTTGTGTTCTACTGGCTGTTGTACTCTGTAC
CCATTTGGTTGTTAAGGTTGAGCAATTGAACCAGCGTGTCGAGAGATTGAAGAATCGGGATTGAGGATGGAG
ATGAAGTGCGAATCGTGGGTTTTCGAGTAATTGGGTCTGTTTTTTGTTGTTTCTTTTTTATGCTTTGCGATTTT
TTTTTATATCTCGGGTTTTGATGCTATGTTATGGTAATGGCAGCTCGTTTTGTATTCCACTTTGATACTCCTATT
AGATGTTATGAACTGAATACAACCTTGAATGTCTTGGCGTCTGATTTAAATGCTTGCGGATTATGAAGTTCC
TATTTTAGGGTGTTTGTGTTTTGGGACTCTGTTTTTATGTTCTAGTAATTATAACTGCTTTGATACTAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13197NM_105687|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L12 family protein (AT1G70190)
mRNA, complete cds

GTCTCTCTGGAGCTTACCCACCACCCTGTCTCGACGACATTGAAGCTTCTTCGGCCATTATCGCCGGCAATCCA
CCAATATCCTCACGGCTCACTGTAACCCACCACGCTCCCTGCTTCAGCGTTTCGCTCTCATTTCTGGGTTGCATT
CATTACCCCTCCCTCAGCGCCTAATTGTCATCTCTCAGCGCCACTGAATTGTTCTCCGAAACTCAAAAATGGGT
TCGATTTAAGTAGATTGCTACTTCAGGGGGAAAGTTAAATTTGGTAACTTGAGAAATGCGCTTAGTTTCAAGA
ATAAGTCATCTTCTACCCAATGTGTTTGCAAACACCATTGCTCTTCTACAGTTGCCCTCAATCCTCTCAACAGA
AATGGAGTGCATAGAAATTATGCTCAACCTTCTCGGATAGAGGAGGAAGAGGAAGAGGTGGAAATTGATCA
GAGAAGGCTTCCAGCTGACTACGATCCTGCTAATTTTGATCCAACAGAGCATCGTAGTCCCAACAGATCGT
GTTTTTAGGCTAGTAGATGAAATATCTGGACTCACATTAGTTGAAGTTGCTGAATTATCTTCCATTTTGATGAA
AAAATTGGGAATGACAGAGATGCCAGTTGCTGGATATATGAAGCCAGGAGCTGTGGGGTTGGCTGGAATGG
TGAAGAAGGTGTCATCAGCAACTGCTAAGGAGGAGAAGAAAGCAGAAAAGACTGTTTATGAGTTGAAACTA
GAGTCTTACGAAGCGTCTGCAAAGATTAATAATTATCAAGGAGGTAAGAAGTCTCACTGATTTAGGTCTCAAAG
AGGCAAAGGATTTAGTGGATAAAGCCCCATCGGTGTTG

>trans_s_13198EF640322|Glycine max acyl-CoA oxidase mRNA, complete cds

AAGTAGCCACATGGTTCATTCTGTCTTTTTACCGGTTCGAATCGGCGGTTCCGCCATATTCATTTCCCTCGAT
CTCTTTTTTTCTTTCTCTCCATTGTTGATCTCCGATTAACAAGATACGAGGCTCGTTTCAAATCTCAAACCCAC
TCCAGTGTATAGCTTCTTATTATTCGTCCAATCATGACGGTTGACGCCAAAGTGAATCGCCAAGATGATAAGG
ACAAGAATGCAAGAAGTGCCTACTTCGGTTTACCGGCGCTGGATGTTTCTGTTGCATTCCCTCAAGCCACGTCT
GCATCCTCCTTCTCCTTCCGTCTCAGACTTCTATCAGTTCAACGACCTATTGACTCCTGAGGAGCAAGCTCTC
AGAAAAAAGTGAGACAGTGCCTGGAAGAAAGTAGCTCCAATTATGACAAAGTATTGGGAGAAGGCAGA
GTTTCCATTTGAAGTTGTCCAAAGCTTGGTAGCTTGTGCATTGCTGGTGGTACTATCAAGGGTTATGGGTGTC
CTGGTCTGTCTATTACTGGAAGTGCTGTTGCTGTTGCTGAAGTAGCAAGAGTTGATGCAAGTTGTTCCACTTTC
ATTCTGGTGCATTCATCGCTCGCAATGCTCACCATCGCTCTATGTGGATCGGAGGAGCAAAGCATAAATATT
ACCTTCCTTGCAAAGTTTGATACCGTCGCTTGTGGGCTTTGACTGAGCCTGAAAATGGAAGTGATGCCAGT
GGTTTAAGAACAACGGCAACAAAGGTTGAAGGAGGTTGGGTAATAGAGGGGAAAAAACGCTGGATAGGAA
ACAGCACATTCGCTGATGTATTGGTTATTTTTG

>trans_s_13199NM_106054|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family
protein (AT1G73950) mRNA, complete cds

CAAGCTGCACTCGGAGAGCAGACAGAAATCACCAAATACAGTCAGCAGGAATATGAAAGACTTCAAAATGTA
AATTTTCCTTATTTCTTTACAGATTTAAACAATCCTGGATAAATCCCTGAATCAGTTAAACCATATGTCTGACAT
GTTTCTACCAAATTTGCTAGGCTTGCTTGATCTGATACTATTTGATTTTAGTATGATTGTTTTCCATCTGTCTAA
ACTTTTGCTTTTTGGTTATCGATCTTCTTATTGGCTTCAATATATCTTGTTTTTCTGGTAATATGATGTGTCTTG
GCTATAATGTTTCAAAATTTTATTGTCAATGGTTAATTCTTGTGGTCTCTTCTATTATTATGTTGACTTCATTGGT
AAACCTGGGGCTTTGAACAGGAAAAGGTGTTATGTCGGGTTTGTGTTGAGGGAGAAATTAGCGTGGTTCTTCT
TCCGTGTAGGCATCGCGTACTATGCAGTTCCTGCTCTGAGAAGTGAAAAAGTGCCCAATATGTCGCGTAGTT
ATCGAAGAACGCTTGCCAGTATATGATGTATAGATCTTTAACCAATCTAAAGGAAGAATCAAGTGCATATTGA
TGGTGGGAAATTGACAAGAGTTTCGGTTATAGTGAAAGAATTGGAAGTGTGGTGGTGGTTTATTATAAATA
CTGATTCAAGGAAAGATACTTCGGTATAGAAAATGCAGTTGCAATACTGAACCTGCTTGAACCTCCT
CTCATTTTTCAAATGTAAAGAAGTGGGTTTCTGGTGAGGGTAGTTAAACAATGACAGTAGAATACAAGTCAGTT
GATATTGGTATTGTATAATTCAGGTTT

>trans_s_13200BT008748|Arabidopsis thaliana At4g14500 mRNA, complete cds

AATGCGAATTCCTTCGGGAATCTGTCTCGAAGAGGGCAGAGCCTGGTGAATTCGATTGCTTAGAGAGAATC
AAAGAAGAAGAAGACGGATTATAGAATTCATTATCAGTTTTGGATGTAGTACTTCTCATTCCATTCCAATCGT
TTTGAATTCGTCTCTTCCTCTTGTCTGAAAATGGAAGAACTTTCTTTGATCTTGTGGAGTTTCTCAAGAAGCC
CTCAATCGCCGAAACATTTGTCGACATTTTGTATGTGCAGTTCGGATCTGGCTTGCTGTCATGATCGGCCTCG
TTATCGGTTGGTCTGGCGTCTCGTTGGACTGGATTGGTTTTCTCGGCTTTCGGAGTAAGTTTAGATTGTTG
TGGACTGCTCCTCTGGATTGGAGCTCGGCGGCTTTGGTTGGCCTTCACGGCTTTATCTGCCTTCTCAGTTTG
CCGTACTCTTTGGTCCAATTTTTATGGGAAGAGGAAGGCACCGCCGGTACCGCCGACCCCGGATTCTCCGGTG
TCATCCACGTTGGTGAAGTCTGACAGAAGGAAGCGGGGATGTAATTGCCAATAAAGATGAGGGAAAAGAGCA
GGATATTGTTACGGAGAATGATTTAGATCACCTATTGCAACTTCTGAAGGAAGGCATGGGGAGGCAGAATG
GCAAAGTATGATGCAAAGGTGACCCCAAACCTTTCATATGAAGCCTGGCGCCTTGAGCCTGAGAACAGACC
AACTGTTTATCGCAGTAGAACTGTCTTTGAAGATGCAACCCAGAGATGGTTAGAGACTTTTTCTGGGATGAT
GAGTTTCGGACTAAATGGGATCCCATGCTTACGTATTTT

>trans_s_13201AY112315|Zea mays CL1308_2 mRNA sequence

TCTCGACTACTGAAGAGAACAAGTCGTCAAAGAAGTCATCTGAGCATGAGAAGTCTGCAGCCAATGGTAACA
AGAATGGAAATGGAGTTTCTACACATGTTCCCTCATTCAAGAAATCAAAGATCATTTGAAGAAAGGTTCTCTC
ACAACCGATCTCAAATCGTTCTTGAATCCCTCTCTGGAAGTCTGCAAGAGATTGTGAACGCCTTGTCGAGG
CTCTATTTGATGGTGTGGCAAAGGCTTCTCTAAGGAAGTAGTGAAAAAGAAGAAGTTCCTTGCTGTAGTCGC
TGCTGAGGAAGGATCACAGATAACTCTTCTACGCTCCATCGAATCTTTTTGTATCAACACAAGTCCAGAGGCG
GGTAAGGAGGTTGCCCTTGTCTGAAATCATTATATGATGGCGATGTAATAGAGGAGGAATTCGTAAGTAGAG
TGGTACAAGCAGGGTGTGGCTGGTGCAAACAAAGCTCTCAAATCTGGAAATACGTAAAGCCTTTCATTGAAT
GGCTCCAAAATGCCGAGTCGGAGACGGAAGAAGAGTAAGAATAATATTACTGCACTCCTTTTTGTTATGGTAT
CCACTGCCTGTGCGTCAGGGCTTTTAATTTTACTGTCATAGCTTTTTGTTTAGCATTCTGGAATAAGGGATCAT
CGTTTGTTCCATTGTGTTGTGCTCATGTCTGTGTTTCGCTTTCGGTGTGTTTGGGTTATATGAACCTCGTCTTT
GAACAATGGTATTGTGTTTGTGTTTCTTCAACTAGTAGCGTGTACCTCTTAGAGACCTGCTTTTGAGTCTTT
ACCGAACAATGTGGAATTTCTGGTTCCTTGTTCT

>trans_s_13202Novel Gene

ATCGTTGTTGAAAAAATTTGTAGAATTTTCATTTCGAACCTTTTTTTTTCTTCTTCTTTTGTAGCGATACGAATTT
TGATAACGATGGTTACGGCGCCGAAAATTCGATTCTACTCTGGCTCCTACTCCTCCGCCGCGTCAGTTCCT
GCTGGAGTTCGAGCGAGGCTGTGGAGGATAAGGAAAAAGCTATGGTTACAGTGCCTATCGTTAATAAACT
AAAGAAGATCCTGTACCAAAGAAGGCTTCGGTGGATCTATTGATAGGGATATTGCTCTTGCCGAGGTTGAAA
AGGAGAAAAGGTTCTCCTTCATCAAGGCCTGGGAAGATAGTGAAAAATCCAAGGCTGAGAATAAGGCACAAA
GGAAGCTCTTCTGTATTGGCATGGGAGAACAGCAAAAAAGCCAACCTGGAAGCCAAGTTGAAAAAATTG
AGGAAGATTTGGAGAAGAAGAAGGCTGAATATGGAGAAAAGATGAAGAACAAGTGGCTTTGATACACAAA
GAAGCAGAAGAGAAAAAGGCCACAGTGAAGCACAAGGTCAGAGGAATTGCTAAAGGCAGAGGAAACAG
CAGCAAAATTCGAGCAACTGGAACCATTCCAAAGAAATTTTGGGATGTTTTGATGAGAGGTTTCATTAAAT
TTATTACGAAGCTTTTGTGTTGTTATTGTTGATGTTACGTACGTATGTTTATTCATATAAGTAACGTGTCATTGT
CCTAATGTATTATGTTTATTTGTAAATGTTGGTGCCCTCTGGTTGGTGTGGCCTGTTTGGTGTGTTTTGGCCC
ACAAATCTTCAACTGTTTATTATTATTTTTTGGGTTTT

>trans_s_13203NM_127149|Arabidopsis thaliana MEE14 (maternal effect embryo arrest 14)
(MEE14) mRNA, complete cds

CCCATCCTTATCCACTTCTTCTTCATCTCTCATCTCATCTTCTTCTCCTCACGATTTTATCTCAAAATTTTCATTCCCATTTCCCTTTTGCTTCAACAATGGAATCCTCCCTTCTCCGTTCCCTTTTCATCTCCTTTACTTCTCGAATCCACCGACCTTCATCTTCGCCGGATCGGATCCCTTCCCTTCTTAGATTTTCTTCTACCCTTGTTGTTGCTTCTTCTCCAAAAGCCATTCTTATATTCCCAAGCTCGAGCCCTTTAGCCGTTCTAAGCTTGATCGCGCCATCAAAGAACCGCCTCTCATTGAGAAGTCTGAGAACGAGCTTGCAGATTATTGTTTCGACGTTGGAAGGAGACGATTCTTATAGCTGTTGGAAAGCGTATTTGAACTCAAAGATCTTGAAAAAGAAACGCCAAAACAAGAAGTGGAGAACTGATTCTGCAAGCAGGAGGCGTGAAATCACTGATAGGGTGCTTACACGGGATAACAGCCATACCGAAGAGCAAGGGAAAGGAAAAAGGAGAAAGGAAGGCATGGAAGACGGGAGTGGAAGGAAGAGGGAATAAGGAATGTCCAATACCAGATGGATTGCCAAAATCTGCTGAAGAAATAGAAGAAGAAGTAGGGAGAATGCCAGATTTCGGCGTTTACGAGATTGTGAGGAGCAAAGGCACATTCCTGCTTGGTATCCCCTGCACCCGATCACGAAACAGATTGAAACTCAAATTTGCTTTTATAGGGTTTAGGCTTTGGCAGATCGATGATATGAGTAGTAGCAGCAGCAGTAGTAGTGAAGTTGATTGGTAAATATTTGTTATATAAAATTTGTGAAC

>trans_s_13204AF021807|Corylus avellana low molecular weight heat-shock protein (HSP1) mRNA, complete cds

ACTCTTCTTCACTTCAAGTTCACTCTCGATTTTGCCGGCGGAGCTTTCTGATCCTGACCAACAATGTCCATAATCCAATCACCGGTCAAGACGGCCGTGTTTCCAACCTTCCCTTCTGAACATCCTCAATCGCTTCCCAAATTTCCCCTTCCCTCTAGATCTATGGCACGATTTCCCTTCCCTTCCCTCAATCTCCGATCCCTTCTTGGGGAGCCACCGTCAACACTCGCCTCGATTGGACTGAGACCCCTAACGCTCACGTCCTCAGAGCTTCCCTTCCCGGCTTTGGCAGTGAAACGTTCTCGTCGAGCTTCAGGATGATCGGATGCTTCAGATCAGCACTGAAAGCGGTGGTTTTGTTAGTAGATTCAAGATTCCGGAGAGTGGGAAAATTGAGGAGTTGAGTGCCTTATGGATTTGGGGTTCTACCGTGTTTGTTCCTAAAGACGAAGATGATCGGAGTGGACGCGATGTACGAGTGGTGGAGATCACTGGGGAGTAGAGTTCGCATTGTAGACAAGTAAGACTCTGAATTTCAATGTTGTGTTTAGGATGAGAATCTGCTTATGATTGTATGTGGTATTGTACTTTGAAGTTGGATTGCTCACCATGTGTTTGATAAAATGTTCCGTGGCTGTGGTAGTGTAATGTATGGATTCTATGTTTATCTTAGAATGTAGATTTGTATCAATATAAAATTTGTGACGGTTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTGTTAGTTTAAAGGTTAAATTTGTAATTATTTGTTGGAATAGGATGCTCCCAAGGACGTAAATTATATACGTACTTGCTAT

>trans_s_13205XM_002885899|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SWIB complex BAF60b domain-containing protein, mRNA

CATCGGGAGCGCGCTCCCGAAATTGGAGCTTCTCGAGTTATCGCTCTTACCGCTTCACCTTCTTCGCTTTATCCTTTTTTTGAGAACACCTTTCGTCACTCACTTACTTCCGGCCATGGCTTTCCTCTCCACCTTCATCGCCGTCAAACCGTCGCTCCTCGTCGTCAAACCTCCCCACCACCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCAAGCATCTCAATCAACTCCCTCTCCCTGATTTGCGCTTCCCCGCACTGTTACCTTCGCTTTCGCTTCCAACCAGGCCACTGCCCCCGCCGGAGCCCCGCGGCATCACGAAGCCCAGGAAGATTTACCGGAGTTGCAAGCACTTGTCGGCGCTCCTGAGATTCCCCGCACCCAAGCTCTTAAGGTCATTTGGGCTTACATTAAAGAAAATAATCTTCAGAAACCAAGCGACAAGAAAGTCATAGTTTGCATGAGAACTGAAGAACATATTTGGAGGGAAAGATGAGGTTGGATTTCTGGAGATTGCAGGTTTAATAAGTCCACACTTTCTATAATTATTCGAAGTATGGAAGATAGACATAATGGACCTTCTTTTGATTCCATGAAGATGAACTTTTTTTTTTCTTTTGTGTGGGAGGCTCTCAACTCAAGTATTGCTCACTGAATCCTGTAGTTCAGAGCCCACATCTTATGATTAGTAGTTAAATAGAGAGAAAGAAAGCTTTTGTGAAGAACTATGATTGGTGGTCTTATGTAGAGATTGTTATATGGAAATCTCTTTAATTATGAGTTTTTGGGTATAATGTTTCACTTTTCCGGA

>trans_s_13206AY075601|Arabidopsis thaliana AT4g32270/F10M6_90 mRNA sequence

AATCGGTTCTTTCTGTTTTTCCATTGGCCTCCCTTGACCTGGCGTCTCCCAAACGGTTTTCGCGCTCCACATCGC
CCTGTTCTTCTCCCAAATCCCAATTCCTAATCCATTTCTACTCTTCACAGCCAAGGCAAGGTCAAAGATGTCACT
GAAGCCGTCGAATCCGAGAAGAATTTGATGCTGCCGGTGTGAGATCCTCCTCACGGAAGTGAAGACAAAGA
CCGATTGATCAGAGGCGATGAGAAGCTCTTATAGAGGATCCTCCATGACCAAACAAGGAGCCTATGCTGCTCT
CTCTTACATGGCTTGTGCACTGCTGTTGGTTTTGTTCAACAAAGCAGCGCTATCTTCTTATAATTTTCCAAGTGC
AAACGTTGTTACACTTGTTCAGATGGTATGTTTCATGTTGTTTTCTATATGCATTGAGACGCTGGAAAGTCATAT
CTTTTACGGTGGGTGATTCTTTTTCTGATAATGCTACTTCAATGGTCCCAATTAAGACATTGAGGCAAACAGT
CCTCTTGACAGGGACGATTTTGCTTACATGCTACTATGGAGTCTGTTCTGAGTAAATGTTCCCATGTACACT
ACCTCAGGCGAACCACAGTTGTTTTACAATGGTTGTAGAATATCTTCTGGCAGGACAAAAGTATACATACTC
AGTTGTTGGAAGTGTGGTTTGATAGTTCTTGGTGCATTTATTGCTGGAGCTCGCGATTTGTCCTTTGACGTAT
ATGGCTATTCTATTGTTTTCATGTCCAACATCACCACAGCAATCTACCTTGCAACTATTTTCCGCATTGGAAAAT
CAAGTGGTCTTAATAGCTTTGGCCTCAT

>trans_s_13207DQ019125|Lycopersicon esculentum cinnamoyl-CoA reductase (CCR1) mRNA,
complete cds

AACTCACTTTTTATCTTCTTCAAACCTTCTCTCTGATTTCTTCCCCCATCCTTTCCATATTTTAATTTTACCACT
ATGCCGATCGACACCACCGCAGTATCCGGTGAAATTGTGTGTGTACCCGGAGCCGGAGGCTTCATTGCTTCAT
GGCTTGTAAGCTTCTTCTTGAGAAGGGATACACTGTTAGAGGAACCGTTAGAAATCCAGATGACCAAAAGA
ACGCTCATTTGAGAACTTAGAAGGAGCTAAGGAGAGGCTTCTTTGTTAGTGCTGATCTTCTTGATTTTGAA
AGCCTTCAAGCAGCCATTATGGGTTGTCATGGCATTTTTTCACTGCGTCTCCAGTCACCGATGACCCTGACAA
AGTGGAACAAGCAATAATCGGAACAAAGAACGTCATGACCGCCGCTGCTGAAGCAAATGTTGACGAGTGGT
GTTACATCGTCGATTGGCACCGTCTACATGAACCCAAACAGAAGCCCGGACACGGTGGTGGATGAGTCTTGT
TGGAGTGACCTTGAGTTTGCAAGAATACAAAGAATTGGTATTGTTATGCAAAGACAAAGGCAGAACAAAGCA
GCATGGGAAGTGGCAAAAGAAAAAGGAATTGATCTTGTGGTGGTGAATCCAATGTTGGTATTGGGACCAATG
TTGCAGGAAGGAGTGAATGCAAGTGTGTTTCATATAATGAAATATTTGACAGGATCAGCAAAGACATATGTA
AATGCAGTACAAGGTTATGTTGATGTTAAGGATGTTGCTAAAGCTCATCTTTTGGTCTATGAAACTCCCTCAGC
CTCAGGAAGATATATTTGGCGTGAGAGTATGCTTCAT

>trans_s_13208XM_002889328|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing
protein, mRNA

AAGAAAGGGAATGAAAAGTTTATGGGTCAAACATAAATGAAATAATCAGTGGTATACACTTTTAAACTAACCC
TACCAAAATCACAGCTATCACTATCCAAAGCCAGAAACCAACTTATCTTTGAATGAAAGTGATCCAATTTCCA
ACTATATAATGAAGAATCACCTCAAGAGCTGCTTAATTCTTCACCACATGTTTATCATGCCTCAATTGTTCTCTG
AGTCTGTTTGAATCATGAAAGTGACAAGGCAGGGATGATATGTAGACATGAAGCCAGACGACATCGAGTTCC
AGTAACTCCATTTGCTTAGAGGACATAATATCAGCAATATCCTTCTCTATCTTTGAACAATCTGTCTTCAAGTAT
GACATAACCCACAGCTATGTTGCACTAGCTGTACATTCTTTGTTTGTGAATAGCTGGTAAATTTAGAAAGATC
GCTTCTCTAACCCTCTGTTATAATTTACTTTGAATGACTGTGAGCCATAAGGTCGACTTAGCAAATAATCG
GCACTCTGAGAGTCTGTTTCCGGTTTCTTCTTCCCCTTATCAAATGCTGAAGGTTTTCTCTCCTCTACATTTTC
GCTACTGCTTTTACATTTCCATTTAAATGGACTTTTGTACGGGTTCAATAGTTGAAGTTTCAACCATGCATGG
ATTTGAATGACACTTTTCTTCCACATTCTCTAAACCAATCCCAGCACCTCTATTTTCACTAACCATACGCTCAGAT
GTCAGAGAATTATTCTCTTTTCTAGCTTCTCTAGGGTGTCAATATCTGCTGGCAGAACTTTCAAAGAATTGTCA
CCATTGACATTCAAATCTTTCAT

>trans_s_13209NM_203216|Arabidopsis thaliana CwFJ-like family protein / zinc finger (CCCH-type)
family protein (AT5G56900) mRNA, complete cds

GTGAGAATTTCTACTGTGCACTGGCCAAAGGTCCTCTTGTTCCGGACCACATACTGGTAATACCTGTAGAGCAC
TTTCCAAACACCCTTTCTCTAGGCCCAGATTATGAAACTGAAATCAACAGACTCCAAAATTGTCTCGGGAAGTA
TTTCAAGAGTCAAGGGAAGGAAGTTGTTTTCTTTGAGTGGGTTTCAAAGCGTAGCACTCATGCTAATCTTCAG
GCTGTTCTATCCCAACATCTAGAGCTCATGTTGTTGAGAACATATTTGATATGGCTGCCGAAAAGCTGGGCTT
TAAGTTCGTGATCTCTAAATCAGCAGACGCGCTAGTGAAGGAAGAAAATTATTGAGGACACAGTTCGATAGT
GATCACAGTTTCTTCTATGCCGAACCTTCTGAATATGTAACCTTATCACATGTTATTGAGGAAAATGAGATATTT
CCAGCCCAATTTGGACGCGAGGTTCTAGCAGGCTTGCTTAACATGGCAGATAAAGCTGATTGGAGGAATTGC
GCCCATTTCTAAGAAGAAGAAACAAAGATGGCTGAAGATTTCAAGATAAGATTTGAAAATTTTGATCCTAATA
AGTGAGTTCTTAGTTGTATTTGGGAAATTCCTGTCACTGCCCTCATTCTTCTAGCGACTCAAGATGCACCTCCC
AAGGCTGTTATATTATCTCAAGGATATCATGCAGAAGGTATACATTGAGTAAATTATTTGGATATTTGAACCTT
TTTCTTCTCTAGAGCGTAACAAACAACCAGATGAAGATGATACGATAATGTCCTTTACCTGATAGCCAAAGAT
CTGTCACGCCAGGTGTTTCTGGATGCATTGG

>trans_s_13210NM_121804|Arabidopsis thaliana TRP1 (tryptophan biosynthesis 1); anthranilate
phosphoribosyltransferase (TRP1) mRNA, complete cds

AATCCGGCAAGAGTCCCCTTCGCCGTTGTTGGCGTATATTCTGAGAACTTGGTCTCCAAAATGGCTAACGCACT
GCAACTATTTGGCATGAAAAGAGCATTAGTAGTCCACTCTGAGGGTTTGGATGAGATGAGTCCCCTTGGACCA
GGACATATTCTTGATGTAAAACCTGGAAAGATTGAGAAGTTTTCAATTTGATCCACTGGATTTTGGCATCCCTCG
CTGCACCATAGACGACCTTCGAGGTGGAGACCCTGATTATAACGCAGAGGTGTTGAAGCGTGTGCTATCTGG
GGAAAAGGGGCATATTGCAAAATGCACTTATCCTGAATGCTGCTGCTTCCCTTCTAGTTAGCTGCAAAGTAAAC
ACCTTAGCCGAAGGAATCGAGGTGGCTCGTGAAACTCAACAGTCTGGAAAAGCCATGAAAACCTTGATTTGT
GGATCAAACCTCTCCAATAAGCTATAAGAAGTATATGCATAGAAGCACTTAAAAATTGAGCTGCTGAGTAAAGA
TTACGAAGAGTTGGAGCTTGTTTCTTTTGAATGTCAGACAAGTTGTTTCAAAGAAGATAATCCGGCTTTTATCA
GCTGCATCCTACAGCTTGAGTTGACTATCTTTTTATGATCAAATCAAATAGTTAACTATTTAAATAAAATATAAT
TCTTTTTTGTTTTTCTCCTTAATAAGGTGCAGTTGAGGGCCAGAGAATTTGAAAGAAAATTTTAAATCAACTG
GGGCTTAACATTGGAAAGCTGAATCATATAACCTCCATGGTGGAGTATGTAATTGTAGACAATCCTTGTCGTA
ATGTTTCGTAATAAAGCTGTGGAAGGTTTATGTTT

>trans_s_13211AJ272011|Nicotiana plumbaginifolia mRNA for oligouridylate binding protein (ubp1
gene)

AGAGCCCCCAATTCAAGATCTTCTTATCCTCCATCTCAATCTCACTATTCGTGGAAGATGCAGTATCAGAGGCT
TAGACAGCAGGCAATGATGCAGCAGTCTCTGTATCCCCATCCTGGCCTCCTCGCTGCTCCTCAGATAGAGCCTA
TCTTGAGTGGAAACCTGCCTCCTGGCTTTGATTCAAGTACATGCCGCAGTGTGTATGTTGGAAACATTCATCCC
CAAGTCACCGAGCCTCTACTTCAAGAAGTTTTTTCAAGTATTGGACCCATAGAAGGTTGTAAGCTCATCAGGA
AGGAGAAGTCATCCTATGGTTTTGTGGATTACTTCGATCTTGCTTCCTATGAACGGCAAATGGCATTTAGCAAA
ATGGGTGCGGCACAAGCGCTAATGCATCCACAGGCGGCTCAGCATGCCCTCAAGCAGGCAGCCATGGGAATG
GGGATGGGAATTGGGATGGGTGGTGCGGGCACAAGTCAAACATATATGATGGTGGGTTCCAAAATATTGCA
ACCACCCAACAGCTCATGTATTACTAGGTATTTGAACTGCTGTAGTGTATGATGCTTTAGTTCATTGTGGAAC
AAAAAATAGTGTTACATGTTTTGGGGATTGTGACCCAAGTACGATCTTGAACCTGCTGCGTTTGCCAATGTA
GTGGTTAGCCCGGGGGAGAAGGTGTTGCAGAGTGATTTAATTTGTTTACTTGTAATGGTTTAGTTTGTAGTA
TCCTGCAAGAAAAAATATATGGTGAGACGCTGGAAATAAGTTCCAAGCCTTGATCTTGATGGACTTATTTT
TTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13212AC068809|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T16G12 From
Chromosome V, complete sequence

AGCTCTGATTTTCAGTAGAGATATTTGGACAGGGCGGTGGACTCGTCACGGTCAAAATGACCAATGCGAGATC
AGCGATGACGGCCGCTACCGGTGTTTCGCCCCAGATTATCCTTGTCAAAGCCCTTGGTGTAAATGGCCCATTAG
GGTTGTTGGAGAGTAATGGATGGGTTTATTCTGCTCATTGTTTCATCTCAAATGTTTTCTAGTACTTCTGCTTGG
GATTGCTGGAAGGGTACACGGATTTTCTTTTGGGGCGATTGCAATCATGTCGATACGATAAGAAACCTTCTCA
ATTTCTGTTGGATTTGCCTGAAATCCCTGCAGTTCCGAGGCGATTGATAGGAATTTTTCGAACCCGAAGAAT
CCTTCTCAAACGGTTCGATTACCAGCATATTCAATGGGCATTGGAATGAAACACAAAACCTATGAAGGTTTGA
ATTCATTGAGAAATGAAGGGTTTAGAAGTCTGCTGCAGAAATACTTCTCAGAAGAAACCGTTCCCGACACAAT
CATCATGAACTCGGGCCTCCACGATGGTGTTCATTGGTTAAATATCCGAGCTTTCTCCGTCGGAGCAACCTATG
CTGCATCTTTCTGGAAACAAGTTTTGGAATCCATTAAGCAGAGGGGTTTAACAGTCCCAAAGGTGTTCTACCG
AACCACGGTCGCAACCGGTGGCTACGCTCGAACGCTTGCTTCAATCCCAACAAAATGGAAATATTCAACTGG
GTAGTGCTGGAGAAAGTGAAGGAAGCTGGGATCATCCATGGCGTGATCGACAACCTTCGACATGACATTCCCT
TGGCATTTCGANCATCGGTGCAACGATGGAGTCCATTA

>trans_s_13213NM_100239|Arabidopsis thaliana catalytic/ protein serine/threonine phosphatase
(AT1G03590) mRNA, complete cds

ATCCGACTCATCAATTGTGAAAAAAAAAATCGGCCATTTGACCTAGAATAGAACCAAACACACAACCAATT
TTGGCTTTTCCTCAAATTTCCCTCCTTTCTCATTGGGGCTTTTACTACTACTTTCTACTACTTTCTTCATACAGTT
GTTAAAGCCTCCTCTTTTCTGTTCCCTTTGCCATTTGTGCAATATTGCTCAATGGGTATGTTTTATTTGGTTGA
ATTTTGGTGTTTTTCAGATTTTGGTTCCATTATTTTCAGGTAAGAACGACAAATAGTCTCTACATGCATTTCTCT
TCCCTTTTTTATGTATCTGTCTGAGTGAGAGTATGTAGAAGAAGTTTGAAGTCCACTTCAAGCATCAAAGTAT
TGTGAGACGGAGTGAACGAGAAGAGCTGGTATCCGTCATCCACTCATCCTCCAATGAAAGGATTGAAGTTTGA
CTGAAAAAAAAACATCCAAATTCTTAACATATTAAGATGATGATGCATTTCTGAAGCCAAGAAAGTAAATGG
GTGGGTGTGTCTCTACAAGCAGCCATAGTACATGTAGTAGCCAAAGCAATGGGGAATCAGTTTCTTCTTCATG
CATGGGAATTGGATTTGTATGTGAAAGCGAACAAGAGAACATTCTCCGACCATGTTTATGCTCTTCAGAAT
CTTCCTCAGCTCCTAACAGGATCTTCATGAATGGAAAAAGTCGTTCTTCTTGCAATTTTCACTCAACAAGGTCGC
AAGGGGATAAACAGGATGCCATGGTTGTGTGGGAAGATTTCATGTCAGAGGACACAATCTTTTGTGGTGTG
TTTGATGGACATGGACCTTATGGTCAT

>trans_s_13214BT022028|Arabidopsis thaliana At4g19860 gene, complete cds

AAGATTTCACTCTTTTCGCTTCAAACATCCCCAAATCCTTATCCCATCCTCTTTCTCCTCTCCCTCTTCCTCT
TCCAATATTGCGCTTTTCGTTGACCGGATTTCTCCCCTCCGATCCTCCTTCTTTGGCCTCCACTTTACCTAGGCA
GGGAGCTTTAACTGCCATGGCTCTGCTATTGGAGGAGATTGTAAAGTCCGTTGAGTTGTGGTTGAAGCTTATC
AAGAAGCCTGACCCCTTCGTCGATCCCAATCTCGATCCTGTTCTTTAGTGCCGGGGGTTGCTGGTTCCATCTT
GAATGCGGTTAATGATGATACCGGCAAAGAGGAGCGAGTTTGGGTCAGGATATTGCGAGCTGATTCTAAATT
GCGAACCGAGTTATGGTCTTTTTACGATCCCACTTCTGGTAAGTCTGTATGTTTTGATCCCAAGATCAAAATTA
GAGTTCCGGATGAGAGAGATGGATTGTATGCGATAGATACTTTGGACCCTGACATGATCATTGGATGCGATTG
TATTTACTATTTCCATGACATGATTGTTGAAATGACCAAGTGGGGTTTTCAAGAAGGAAAAACACTTTTTGGAT
TTGGATATGATTTTCGCCAAAGTAACAGGTTGCCAGAAACATTGGATCTCTTAGCTGCAAACTGGAGGCAGT
ATATACTGCTTCGGGAGGAAAAAAGATTAATGTCATAAGTCATTTCGATGGGCGGTCTTTTAGTGAAATGCTTC
ATGGGCTTGCGCAGCAAAATTTTTGAGAAGTATGTGAAGAAATTGGATTGCATTGCTGCACCATTTTCAGGGTG
CACCTGGATATTTTACATCAACCTTTGTGA

>trans_s_13215GU250736|Litchi chinensis glutaredoxin mRNA, complete cds

>trans_s_13216NM_001069564|Oryza sativa Japonica Group Os09g0373000 (Os09g0373000)
mRNA, complete cds

>trans s 13217XM 002873871|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase, mRNA

>trans_s_13218HM122454|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH16)
mRNA, complete cds

CAACCAAACACTTCTTTACTACTCTCCATCCATGGTGATTCCCAAGCTTTTTTAGTTCATTCAACTTTTTTTTCCAA
AACCACCAATGGACTACCCTCCACCAAAGCTGGAATTGGCTCTTCGATTGCTCTACAATGGATGATCTCGCCGTC
GTCGACCCTCGATTCTCGCCCCACAGTCCATCAGTTTCTCCTGGTCCAATCCCTCGATCAGTTTTGTATCTAAA
GACAGCCTTGAGGTAGATTGCTCATATGAAGATCTAGACAGCACAAAGGAAGTGGGTCGGAAACGACTAAG
GGGTGAAACAAGTGCTGCATCTACCTCCAAAGCCTGCAGAGAGAAACAGAGGAGAGATAAGCTGAATGAGA
GGTTCTTGGAATTGGCTGCTGTCCTGGAACCTGGAAAACCAACCAACGACAAGGTTGCAATCTTGAGCGA
TGCTATCAGAATGATGACTGATTTACAATGTGAAACTCAGAAGCTGAGAGAATCAAACGAGGATTTGAAGGC
AAAAATCAAAGAACTAAAGGTTGAGAAAAATGAACTTCGTGATGAGAAGCAAAGGTTGAGAGCAGAGAAAG
AAAAGTTGGAGCTGCAAATCAGAGCAGTGAACACTCGAGCAGCTGATGTTGAGCATCCTCCCCCTACACTATC
AGCTGCATTTACAGCACAAGGGCAAGCGGCTGGTAACAAATTGATGCCCTTTCATTGGTTATCCTGGCATTGC
CATGTGGCAATTCTTGCCGCCTGCAGCCCTCCACATAATCACAGGATCATGTGCTTCCCTCCACCAATTGCTT
AAAGGGGAGGACAAATGATTGGTTGGTTGTTGTAAGCT

>trans_s_13219CT029770|Poplar cDNA sequences

AACAAACACAGGGTGAGGCCTAGCCTCTACCGCTTCCTTAAATCTCCCTCCTCCCTCTCCCTCTCCCTCTCCCTTT
CTCTTCTCCTCCTCTCCCTCTCTCTACTCACTTTCAGGTGGGTTTTCTTTTTCAATTTGAATTTATTTTTTT
TCCCTTTTTGTTTTGGATCGATGGATTCTGTTGGGAAGAACGTCAATCGGATTAAGGGTCCCTGGAGTCCTGA
GGAAGATGAATCGTTGAAGAGATTGGTTGAAAGCTACGGACCCAGGAATTGGTCCTTGATCAGAAAATCCAT
TCCTGATCGTTCTGAAAAATCTTGACGTCTTCGATGGTGTAAATCAGCTTCTCCTCAGGTGCAACACCGTCCGT
TACTGCGGAAGAGGATGACGCCATTATCAGGGCTCATGCCAAGTTTGGGAATAAGTGGGCCACCATTGCTC
GTCTTTTGAATGGCCGTACCGATAACGCCATTAAGAATCATTGGAATTCGACGCTCAAGCGAAAATGCTCCGC
CATGGGTGATGATTTTAACGATCCCGATTTGCATCACCTCCCAAAGATCTGCCAGCGTCGGTCCCTCTCCAG
TCACCGTCGTTCCGGGTTTGGGTTGAACCCGAGTAGTCCACCTGGTTCCGATTTGAGCGACTCCTCTCCTCCA
CCCCACCACAGCCGTGTACAGACCTTAGCTAGAAGCAGCTCGATCGTTCCATCGAATCAGCAGCAGCAGC
AGCAGCAGATTGTGAACTCCTACGATCCTCTACTTCACTCTGCCTCTCATTGCCAGGATCCAATTCGAAATCC
GGGTATGGGTATTCGGACCGAAATCTTTT

>trans_s_13220NM_120719|Arabidopsis thaliana ribosomal protein S8e family protein (AT5G06360)
mRNA, complete cds

TCCTCTTCCGAACAGCGCTCTTTGATCGGAGCTCTCGTTTCTGTCATCTAGGGTTTATCTTCTACAGACAATTC
GGCCTGCGATTGTAGACTTTCGCCATGCCGCAGGGAGATTACATTGAGCTTCACAGGAAGCGACATGGCTACC
GCCATGATCACTTTGAGCGGAAACGCAAGAAGGAGGCTCGTGAAGTGCACAAAAGATCTGCTACAGCTCAGA
AGGCACTGGGTATCAAGGGCAAGATGTTGCGGAAGAAACGCTATGCGGAGAAGGCTCTGATGAAGAAAACA
TTGGCCATGCATGAGGAGTCTTCAAGTAGACGCAAGGTTGATGATGATGTTACAGGTTGGCTGTTCTGTCAT
ACCTATTGGATCGTGAAAATACAGCTCGGGCCAAAATTCTTAGCAACACCGTTAAGCAAAAGAGGAAAGAAA
AAGCTGGAAAATGGGAAGTTCCCTGCCCAAGGTCAGACCCGTTGCCGAGGATGAAATGTTTAAAGTGATAA
GAACTGGTAAAAGAAAAACAAAGCAATGGAAGAGGATGGTCACAAAAGCTACATTTGTTGGGGCGGGTTTTTA
CAAGAAAACCTCCCAAGTACGAGCGGTTTCATCAGACCATCAGGTCTTCGATTTACAAAAGCACATGTCACACA
TCCTGAACTTAAATGTACTTTCAATCTTGAGATCATCGGAGTGAAGAAAAATCCGAATGGTCCAATGTATACCT
CTCTGGTGTCACTAAGGGATCTATTATTGAGGTGAATGTCAGCGAACTAGGTTTGGTCACACCAGCTGG
GAAAGTAGTATGGGGGAAGTATGCTNCAGTGACCAATAATCC

>trans_s_13221AL161587|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 83

AGAATAGAAATCAGTTTTCTAAATTTGGTCCTTCAAATCTTTATTTTATAATTAATCTTTATGGTTGATTTTTGAA
AATAAAAAAAAAAACCTTAGGTTTCAAACCTATTTAAATATTAGATTATATATTTATTCTTCTATTGAAAATGTAT
AGACTAAAATGGGATGATAAACTTTACAAAAAGTCAAAAGTGAGGTGTGAATATCTAAACCTAATTTGGTGAT
TGTACCTGTAATTTCTGTTACGTTCTCTTGTAGCTTGCTTTCTGTCATTTTTGCAACATTTGTATCCTGTTTGTGTT
GTAGGCAAATAAAACAAATGGGATCAGTGGCGTTGTAACCTCATGCAAACCTATCAAAATTACTCCTAATCAC
GCAATAGTTTCTCAATCGCTAGATCAATATAACTCCAATCTCATTTTTCGGATTTTATTTTCCATTCTTCAGGTTG
GGAAATCAAAGCCACTGTATGGTGGGTGGCAGCCAATTTATACTTACACCAGCCGATGAAAACCCGTACTIONTCT
TCTTGATTTGATCAACTGCACCTGCTGCCTTGTTATCTCCTGCTGCATTCCAATCAGCTTGCTCTTCCTTGGCTGA
GTTTTTCTTCATCTGTTTTAATTTTCTGAATTTTTTTTATTTGTATGAAGTCACAATCAGCGGTGGTTCCAAGTC
TCATTGTGTAATAAACTTCTCTATTTTACATTGTCACAGCGGGCAGCCTACGTAAATTTAGGCTTCGTATTTGA
AAGATATAATACTACACTCGTCTTCATTTTGAGAAGGCCCAAGTTGGTAAAAAGAACAGAACCTTAAAAACAA
TTTGCATCAAGAAGAGATT

>trans_s_13222BT025644|Arabidopsis thaliana At4g28310 mRNA, complete cds

TGAACCAATACCAATTCCAATTCCATTAAAAATTTTACCTTTTCCCGTACCCTAAATTACCTGTCCATATCCATCT
CTACCATGGTGGTTCCTCTTGGCCCCGGCAAGTTCTACGGCAGCAGTCTTCTCGTCCCCGCTACTACACCGAC
GTCAAGCTCAATGATGAACGTGTCGATCCACCGACTCCAGTTCTCGATCCACTCCTTTCGTGGGCTAACGAGGC
TCATTGGTCAATGGTGGTCTTAGCTTCAATCGCCTCAGGCTTCAAGGTCGGATCGAAGGCAATGTCCACAAA
CTTCGAGTCGAGCGCGAGAAGGTTGCCAAGAAGAAGCTTAAAGCCGAAAACTCGACTCTGCGCCAAAGAGA
TCTGACCCAGATGCCGGAGCCGATGCCCATCGCCAATTGAAGAAGGCGAGATCTGTAACCTCCACCACCGGCA
CCGGTTGCAACCAAGAGACGGCGATTGATGGTTCTGTTTGAAGATGAGGACGATGTAGGCATGGACAAGGA
AGAAATTGGGGTTGTGAAGAGGAGATTGGTGAAGAACTGGGAGATGATTTTGATCGGGTGGCTGCAGAGA
GTAAGAGGAATCAATTGAAGGGTTTGAAGGACAGAACTCAAAGATCAATGAGGTTAATGAATCTGTAATGA
AGATCGTCGAGGAGATTAACAATGAAAATACTAAAGTAAAAGAGATCAACATTGAAAAAAGGGGAAAACT
GTTGGAAAAGTCGAGTCTGTATCTGTTTCTGGGACAAGAACTTCTCCAGAATGGCTAATAAGCGTGCTTAAA
TTGATTTCAGTATTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13223NM_106592|Arabidopsis thaliana ALDH5F1; 3-chloroallyl aldehyde dehydrogenase/
NAD or NADH binding / succinate-semialdehyde dehydrogenase (ALDH5F1) mRNA, complete cds

AAGATGAGTATCGATCGTTTTTTAATAGACCGAGGATGAGTCGTTAATTTGATTTCAATATTGCTTCACCCATT
TTTTAATTCCAAATAGCAAGAATCATCATCAGAGATCGACAATGATCATGACGGTCACTGCTAGAGTAATCGC
AGCAGCTCGATCATTGGTTCATCGAGCCAGTTCCTCTTCTACGTCCATCTTCTGTGTGTTTCGCTGCCAGAA
ATCTCACTCCCACACCCTTCTCATTCTGTAGATGAGCTCGGAGGCGCAGAGCATCACTACTCGTCTTCACAGTT
CTGGATTATTAAGAAGCCAAGGTCTCATTGGAGGGAAGTGGATTGATGCTTATGATGGGAAGACCATTGAGG
TTCAAAATCCAGCTAATGGTGAAGTTATAACCAATGTTCCGCTCATGGGCAAAAGGGAGACCGATGATGCTAT
TTCTTCAGCTTATGACGCTTTTAAAGTCTTGAGCAAGCTCACTGCAGCTGATCGGAGTAATCGCTTACGCAAT
GGTATGAGCTCCTAATGGCCACAAAGAAGAGATTGGACAACCTGATAACCTTAGAGCAAGGAAAACCTTAA
AGGAAGCTTTGGGTGAGACTAACTATGGAGCCAGCTTTATTGAGTTCTTTTCTGAAGAAGCAAAGCGAGTATA
TGGTGACATAATCTCACCAACTATAGCCGATCGTCGACTTTTGGTCTTGAAGCAGCCAGTTGGAGTTGTTGGC
GTCATTACCCCTTGAACTTTCCGCTGGCTATGATTACACGGAAGGTTGGACCTGCTCTCGCAAGTGGTTGTAC
GGTGGTCATAAAACCCTCTGAGCTTACCCCTTG

>trans_s_13224AF202184|Glycine max isoflavone reductase homolog 2 (IFR2) mRNA, complete cds

AGAAATTTTATAATTTAAATAATTTCTTGATCGAAACTATATATTTGCACTCATAGATATAGATATCATCTT
CTTACCTTAGTTCTTTCCGTTTTGTAGCTCACCGTAACAACTCCGATCAGGTTTCATTGCGCTGAAACCTTAATTC
AATGGCTCAGAAGCTCAAGGTTCTCATCATCGGAGGTACTGGTTACATCGGAAAGTTTCGTAGTAGAAGCCAGT
GCCCCAGCAGGTCATCCAACTTTTGTATTGGTCCGCCAATCTACGCTCTCCGACTCCGCCAAGTCTTCGATCATC
GATAGTTTCAGGAACTTAGGTGTCAATTCGTCTTCGGTGATATCTTCGACAATGAGAGTCTGGTTAGGGCAA
TACAGCAGGTCGATGTGGTGATATCCACCGTTGGTCGTGGTTTGTATCCCATCAACAAAATATCATATCTGCT
ATCAAAACAAGCTGGCAATATTAAGAGATTTTTCCCTCGGAGTTTGGCAATGATGTGGATCGTGTTACGCCGT
GGAGCCAGCAAAGTCGATGTTGCCAGAAAGGTTGAAATTCGTAGGGTTGTTGAGGCAGAGGGAATCCCCCA
CACATTTGTAGTTAGCAATTTCTTCGATGGTTACTATCTTCGCAACTTTTCTCAGCCAGGAGCTACCGAACCACC
TAGAGACAAAATCAAAATCTTTGGGGATGGAAATCTCAAAGTAATTTACAACAAGGAAGAAGACATTGGGAC
ATACACCATCAGAGCCATAGATGATCCAAGAACCCCTTCACAGATCTTGACATTAGACCTCTGCGAACATCT
ACTCGACGAATGAACTAGTCTCACTATGG

>trans_s_13225AJ580823|Lotus corniculatus var. japonicus ORF1, ORF2, ORF3 and genes for
vacuolar proton-ATPase subunit-like protein, papain-like cysteine proteinase-like protein 1 and
papain-like cysteine proteinase-like protein 2

AATGGCCTCTGTTTCTTCTCATGTCTCTTCTCTCAACCCACCATTCTTCTTCAAAACATTCCCTCCTCATCT
CCCGAATCTCCGACAAGCCATTTCCTCCAAATCTTTGAAGTTCTCATTATCCCCAAACCCACCAAATCCTGAAA
CTCCTCCACCCAATTCACCTGAAACTCTCTGATGCTGCACCGCTCCTCTCGACCCTGTCAAGCTCGCATTCTG
AGCGAGCCAAGGCCTACAAGAAATTGTCAAATCGGGCTCCAATTTGAATGTTGAGCTCAAACCCGGCGTTG
GTTCTGAAGGCAACTCTGTCCAACTGGTAAATTAAGTTTCGATGGGGCTGACGAGCAGAGAAAAATGCAGG
GTGGGCTTAAAATTACGGTAGAAGGTGCTACTGAAGTGAAGGGGGAAGCGAAAGTTGTAAGTGAAGTGGCAGC
AAGGGTGGGGAAATCAACACCAACGAAGGATTGAAAGACAGAGAACGGGAAAATTTGGGAAACAAACAAA
AGGGTGATAAAAAGGGAGAGCTTTCTATCTCAAGCATTGATTTTATTGGGCTTGCTTTGCGGATAAGAGAAA
GACCAGGGGATTACCAGCTGGATTGGTTCCAATTTAGACCCCTTTTCTGTAGAAGACTTGCCTGAAGTGGAA
ATAATTGTAGGTGATTCGAGCAAGTTTGACGATGCGACAGCATCCAAAATTAACCAACGCAGGAGGATGAT
TCTGATCTTTACAAACCAAGGTTTCTACATGGGGTGTCTTTCCAGACCTGACAACATTTCTAAGACGTTTGG
GAGGTGGAAGAACTATACGCCCTGGAGATGTGCTTGAA

>trans_s_13226AY094411|Arabidopsis thaliana AT4g38220/F20D10_340 mRNA sequence

TCTTGTATAACATTAATCTGAGAACCATCAAAGCGGGCAACAGAGACAGGACCCTGCCATTTCCCAACCACCT
CAGAAGCTTTCAAGGCGGCCGTAGAAGCAAACGCTGAGTCATTGATGGCACATCCGCCAAGTTGTTCTCCATT
TCTGAATGGTCCATACCACTGCTCACAGAAAACCTTTGATATTCTGCAAGACTAGCCGTGAACCTTCAACTCGAA
CAACCTGAACAACCTCACGCGAGATTCACGATCTGGAGGATTAACCAGGCAATGCTCCAACCTCTATTAACCTA
CAAGAACCTCCAACCTCAATTGGCCAGACAACTACATAACATCCACTACGTTGATATCCAAAGGCAGTCACTTC
ACATTTCCCCCAATTCCATCTCCAATATTTCTCTCATCAATGCTGTAACGGGTTGCAGCATCGGCTTCACATCCC
ACCGTAGGAAGTAGCTTTATTGTCTTGATCATGAGAGAGGGCTGCTCAGGTTCTGCAAGAGTTGGGCATTGTG
TTTGCCAATCGAAAACCTTAACCTCCCATTTCTATACCGATGTTTGAAGACGAACGACGATTACAGTGAAGAA
TACGCTGCGATTGAAGACGTGAGAAGCAGCGATGATGAAAAAGGCAGGAGAAGAAACGACGGAGGACGA
CAAGGCTCTGTTCTGACAAATAACACTGCTAGAAGAAGCGAACGCCATTAAATCCTAGAAAGAAAGCTTCAA
TAACTGTTTGTAATTCAGATGAATTCGGAGAAAGTCTCCGGTTTCCTCAGCCCCAGCCTCGCCGGAGAAGAAG
GGAATCGGAGAATTTAGAAAGGGAGAAGAGAGAAT

>trans_s_13227NM_106022|Arabidopsis thaliana AtRABA6a (Arabidopsis Rab GTPase homolog
A6a); GTP binding (AtRABA6a) mRNA, complete cds

GGAATTTGGGGAAAAGGGATTTAGTTTAAAAGGTTTATTAAGAAAGAAAGGGTCTCTGTTTTTCCCTTTGGC
AGAGCAGAGAAACAGAGAAATGGCGGACTCGTTGGACGAAGAGTGCGATTATCTCCTCAAGGCGGTTCTTAC
GGGCGATTCCGGCGTCGGAAAAATCCAATCTCCTCTCTCGTTCTCCAAAAATGAATCCGATTCTGACTCTAGAC
CGACGATCGGTGTCGAGTTCGCTTACCGGAATATTAAGGTCGCCGATAAACTCGTCAAAACCCAAATCTGGGA
CACCGCCGGCCAAGAAAGATTTAGGGCAATTACAAGCTCTTATTATCGAGGAGCATTAGGAGCATTACTTGTT
TACGACATAACTCGTGTAGCTACATTTGATAACATAAAGAAGTGGCTACGAGAATTGAGAGAGTTCGGAAATC
CAGATATGGTAATCATTCTAGTTGGAACAAATGCGACTTACATCAATCTCGAGAAGTACAAGAAGAAGAAGC
GCGACATTTGGCCGAGTTGGAGAACTTACTTTTCATGAAACCTCCGCCAAAGATAATTTGAATGTAGAAGAG
GCATTTCTTGAAATGGTTCGTAGGATCCACGCCATCGCTTCTCAAAGACATTGGATTTGCATAAAAAAATCGT
AAAGCTTGTTGATTTTCCAAATGGAAAAGAGATTATTAGTATTCACGAAGTAACTCCAACCAAATCCAATTCAA
ATTGTTGTTCTTTTTGAAAATTTAGTTTTGAATGGTGAGTCAAAGTATCTATCTTATAAATATATTTTTATTTTAG
TCCAAAAA

>trans_s_13228Novel Gene

AGCCGTCGCCGTCGCTCAAGAGAAGGGTTTCTCCACCAAAAGCTCCAATGGGTATCGATCTGGTAGCTGGAG
GCAAGAGCAAGAAGACCAAAAGGACTGCCCCAAGTCCGATGATATCTACCTCAAGCTCCTCGTTAAGCTGTA
CCGGTTTCTTGTTTGAAGAACTGGAAGCAATTTCAATGCAGTGATCCTCAAGCGCTTGTTTCATGAGCAAGGTG
AACAAGCCGCCAATTTCACTATCCAGACTTATCAAGTACATGAAGGGAAAGGAAGCGAAAATTGCTGTCGTTG
TTGGAACCGTGACAGATGACATTCGCGTTTACGAAGTCCAGCATTGAAAGTTACAGCCTTGAGGTTCACTGA
GACCGCAAGAGCCAGGATTGAGAAGGCAGGTGGTGAGTGTGACATTGACAGCTTGCCCTTGAGGGCTCC
TCTTGCCAGAATACGGTTCTTCTCGTGACCAAGAAGTCTCGTGAGGCCGTGAAGCACTTCGGTCCTGCT
CCTGGTGTGCCTCACAGCCACACGAAACCATACGTGAGGTGGAAGGAAGGAAGTTGAGAGAGCCAGAGG
AAAGAGAAACAGCAGGGGATACCGAGTTAATTTGTTCAACCTTTTTGTGAGACAAAATTCACGTTTTGCT
AGACTTGAAGAAATATTATTATGTGAGACTCTATCATGTCTTAGTACAAGTTTTTCTTATATAAACCAAAAT
CGGATCCGGTGATAGATATTGTTAAAAAATTTCCCAAAAAA
AAAAAAGCAAAAAA

>trans_s_13229Novel Gene

TAATACTCTCAACCAACCCCTTTCAAGTTTCAACCCACTACCCTTTATCTCTTTCCCCAGATTCATCGCCTTCTT
CCCTCTTTCTCCAAAGTTTATGCGTGATGGGGGAGAGAACCCACCTGGGAGTTACTTCCATTACCTCCCCCT
TCTGCTCATGCATCCCCTCACAGGACTCCTTCCATCCCTTTAGATCGGGAGAGGTGTCTAGCGGAATTACTGTC
AGAGAGACAGAAGTTGGGTCCCTTCGTTCAAGTTTTACCTCATTGTAGCAGACTTCTGAATCAGGAGATCAGA
CGTTTATCAGGCCTTAATCAAACCTTCTGTGGATCATGAGAGATTTGAGCATGGCAGTCTTACAGGTCACTAG
GTCAGCTATCAAATGGAAGACCAATGGACATGGAAGGTTGGCCTCCAATGCAAATGGAGGGAAGTGGACAT
GTCCATGGTATGGGTCCCCTTCAAGCTCATTCAATGGGTTGGCCGAGGGTGCAAGGAATTCCTACTACTCAA
TAGTTAAGAGAGTCGTTAGACTTGATGTACCTGTTGACAAATATCCAAATTATAATTTGTTGGACGACTTCTG
GGACCGCGTGGAAGTCTTGAAAAGAGTTGAAGCCTTGACAGAATGTAGGGTGACATAAGAGGCAAGGG
ATCTATCAAGGATGCTTTAGAGGAAGAGAACTAAAGGACAAACCTGGCTATGAGCATCTTAATGAGCCCTTG
CATCTGTTGGTTGAGGCAGATTTCCAGAGGATACAATAACGCACGCTTGGATCATGCAGTGGCAGTTTTAG
AAAGTCTTAAACCCGTGGATGAATTGCTGGATCA

>trans_s_13230BT005947|Arabidopsis thaliana At5g13560 gene, complete cds

ACTTTGCGCCATTTTCTGCAGAACACATAAACCCCTAAAAGCTGTCTTCCATGCGGGAAATCATCTTCTCAAT
AGCCAATTTCTCCTTCTTCATCATTCAATTGCTTATTGCTAACCAAAATCTCGTTACAGACGAAGAAGGATTTG

GAATGTCGTGGCTAAAATTGGCTGTGAGCAAAGCAGTGGAGGCTGGGAACAACAATAACCTCACTCGGGTCG
TAAAAAATTATGCCGACACCGTCGTTACCACGCCGGTCAGGCCGTTGCCGAGGGTGCCAAAATTCTCCAAGA
TCGCATTGGGGCACGGAATTTTAGAAGTATCAAGCAGACTATACAAAGATTGGAAGAAGCTGCTGTGTCTTGT
AGGGGCCCTGAAAGAGCTCAACTGTTGAAAAGATGGTTGGTTGTGCTTAAAGAGGTTAAAAAATTATCTAAC
GCTCCCTCGGAGGAGAAAGCAAAGACCCTGGAGCAACATCTTGCTTTTGAAGATGCGAAGGAGAGCCCAAGA
AAACCTGCTATTGTTTTGTATTACGATCCTGATGTTGGAGGGGAACCAATGAACTTTTGTGATGTTTTTCTTCAA
AGTCAAGCTCTGGAGGGAATTACATTATCTATTATTCTTGAAGCGCCAAATGAGGAAGAAGTGTCCCTTCTCCT
GGACATGTTTGGATTATGTCTAGTTGGGGGGAAGGAAGTTCATAATGCAATAGTTAGCAGCATACAAGATCT
GGCGAAATCTTTTTCCAGCTACGAGGATGAAGTATTGGTGAAGCGGGAGGAATTGCTCCCATTTGCACAAAGT
GCAATTTCAAGGTTGAAGATCAGCGCTGATCTTGG

>trans_s_13231AB061204|Cucurbita maxima mRNA for thioredoxin h, complete cds

CGTCTCTCTTCATCGGTTCTTTTCAAACGCAGCGTAGACTTTTGCAGAACAAAACAGATTCTTGTTAGATTCTC
AATGGCCGAAGAAGGGCAAGTGATTGGGATTCACAGCGTTGAGGAATTCGACGCGCTCGTACTTAAAGGAA
AGGAAACGGGTAAACTGATTGTGGTGGATTTCACTGCTTCCTGGTGTCCACCATGCCGTTTCATTGCTCCAGTA
TTCGAGAGTTGGCTAAGACGTACCCCATGTCAATTTCTGAAAGTGGACGTTGATGAAGTTCAACCAATTGC
TGCGAGGTTCAAAGTTGAAGCAATGCCGACCTTTGCTTTCTGTGAAAGATGGTGAGGAAGTTAGCGTTCGCAG
GATCGTCGGTGCTGACAAAGTGGGGCTGGGGAGGAACGTATCTGAGTTGTGCGGTCCAGTTCCATCAACTTC
TGTTGCATAAATGGTCAGCTTGAAGCTCATTCTGCCTCTTATTGTTATGGTGTATTGTTGATGATTCTGATTC
GAGTTTTTTCATGGATTTTATGACAATATGTTTGAGATGTGTACTTGTTTAATGAATGTTTGTAGAATAATAAAT
GTATAATAAGATTTAATATATAAATTAGCTGTTTGAGCTTTTGAATTAAGGCAAAAAAAGCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAATGAACATCTAAAAAAGCAGTTTACTTTTGCTTTTCTTTCTCTT
TTTCCCGGGAAGTCTTCGGAAATATGTAAGACTTGTAAGTTTTATGGTTGCTTGAATTTCTCATGTTTTGTGT
TTGGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13232XM_002867691|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-galactose transporter 2
(ATUTR2), mRNA

AGGAAAGCTTTAGAAGAAAAAGCCAGGCCACTCACAATCGTTTCTACTTCTCGTTAAGTTTTTTTTTTTCCC
CTTTCTCTTCTTCTTCTTCAACAACGTTTTCTCTTCAAACCTCTGTCTGTAGACTTATAGAGAAGAAGAAAA
ATTATTAAGGTTCAATTTGATTCCTTCTGTTCATATTCCTTCTTCCCAATGTAAGTATACCCCTTTTACTTT
TTCACTTAAAGAAATATTACCAGCGAATTAAAGCTGCGTTGGGGTTTTTTTTTTTGGTTTCTTGGGATTGCT
GTTTGGGTTTTCTTTGTTTTGTAACGTTGACGATTGTGGAAGATGAAAAACGAGGACCAACCCAGGTCCCTCTT
TGGGATTTTGTCTACTGATCGACCTAAATGGCAGCAGTTTCTCATTTGTACTTCTGGGTTTTCTTTGGCTACCT
TGTTAATGGTGTGTTGTGAGGAATATGTGTATAATCGTCTTAAATTCAGTTATGGATGGTACTTCACATTGGTGC
AAGGATTTGTTTATCTCGCACTTATTTATCTCCAAGTTTTACCACCAAGCAAATGGTTAACCCATGGAAGACA
TATGTGAAGCTCTCAGCTGTTCTTATGGGATCTCATGGATTAACCAAGAGCTCCTTGGCTTTTCTGAATTATCCA
GCACAAATTATGTTCAATCTACCAAGTTCTTCTGTTATGATAATGGGAGCCTTCATTCTGGCTTGAGAAG
GAAATACCCTATTCATGAGTATATCTCTGCACTTCTTTTGGTGATTGGATTGATCCTCTTCACCTTAGCAGATGC
ACAGACTTCTCAAATTTT

>trans_s_13233AY054286|Arabidopsis thaliana At1g10180/F14N23_6 mRNA, complete cds

TGACCAGGAGTTTTGGGGCGTTTTTGAAGATAATTCAGTTGATCTCCTGCCTTTGGGTTTGCAGCAGTTAATTC
TTGATATGCACTTCACTGTTGAAATAGCACGTTTTGCTGGCTACCCGTCTCGCCAAATCCATCAGATTGCGTCT
GCCATTATTGCTCGTGCAATCAGGACATTTTCTGCTAGAGGCATTGATCCACAAAGTGCACTTCTGAGGATGA

ATGGTTTGTGAACTGCCAAGTCTGCAATCAACAACTTCTAGGACCTGATGGGTCTGATGGTTCCGAGATC
GATGATGATCACATTATTCTACATGACGACGACGTCTCGGATTCAGATGATACTACATCCTCTCTTCAACACT
GGAATCTACAGAGTCTTTTGCTCTGCAAGTATGGGAGAACTCGAGAGTCCATCTGATCTCACCGATTCTGAG
AACTAGTTTAAAAAGATGGAACAGAAGCTGGGCCTTGCATGTATAGCAATTATCAACCTTCAGAAATCGCTTT
CGATAAAGTCTGATCCAGATTTTGAGCTATGAGATTGTAGAATACAAGGCTTGTAGTAGTGTTAATTGTAGA
TTTGGTGTAGCTTATGCTTAATGCTGTGATTAATAAACTATTAATGTATTTTCATGCTGTATTAATCAATGATCAC
ATCTTTCCAGAAACGAAAAGGATGATCGTCCACAGTTCTCATATATGCTTGAATGATAGGTCAAGCATATCAT
AATTTAACATAGTTTGTAGTTTTTTTTGTTTATTGAAGTTGTAGTGGATGGAGTTTACATGTTTTTCATAATTATCT
TTTATTTATTTATTTTTACTGAATACAC

>trans_s_13234NM_104705|Arabidopsis thaliana ATTPS10 (trehalose phosphate synthase);
transferase, transferring glycosyl groups / trehalose-phosphatase (ATTPS10) mRNA, complete cds

AACCTAACCTCTCATGAATTTCACTTCCAAACCCGCCTTCCCCCTTATTCCTTCCTTCTCTCTGTAATGCCGCTT
CTTCTCAAAGACTATCAAATTAGATTCAAGATAATCGCACCATTCCCAGATGATTTGAAACAGAGGCGTTCTGT
TTTCTGTTCTGATTTGATTTGATTCCTCTGTTCTCGTTTCAGGTTATTGGTTATCTGTTCTTCTGTTGTACGGTGG
GAAAGTCAAAGCAGTAAATTTTTATTATCCGCGTTTATCATCGATTGATAATTGAAAAGTGGGAAAGATCT
GATTGTTTACTGTCATGCTGTCAAGTTCTTGCTTAAGTTTGTTAGAGTTATCATCTACGGATATGTTGGATTTTC
CTCTACACCGAGAACGGTACCACGGGTGATGACTGCTTCTGGAATATTTTCGGATAAGGACAGAGATTCGGA
AGTTTCCTCTCTAAATGCCGAGGGAGAAAAATTATCGTGGCAAATTTCTCCCTCTTCATTCTAAAAAGGATC
CAGATTCTGGAAAATGGAGCTTCAGTTTTGATGAGGATTCGCTTTTGCTTCAGCTGAAGGATGGATTCTCACCT
GATGTAGATGTTATATATGTTGGATCGTTAAAGTTCGATGTGATATCCGAGAGCAAGATGAGGTTTCTCAGA
AATTGCTGGAGGAATTCAACTGTGCACCGACTTTCATTCTACGTACCTTCAGAAACAATTCTATCATGGATTCT
GCAAGCAACATTTGTGGCCACTTTTTATTACATGATGCCGATTCCCCTTATCATGGATCTCGCTTTGATCGAC
ATCTTTGGCAACGTACCTTTC

>trans_s_13235X63537|P.sativum mRNA for thioredoxin F isoform

ATTTCTGAACCTTTTCCCAATCTCTCTCTCTCTCCATGGCTTTGCATTTCTCTCTCTCCCCGCCGTCGGTCAGA
TCGTCGCCGTCGTTTCCCTGCAGTGGAAGGCAGCCGATCCCCGCACTTCCGACTCGAAGAGTGGCTGCTTCA
GTTTCGAGGAGCTTGAGTGTCTCTAGTAGCAGAAGCATTGGTGTTCCGGTGGGAATCGGTCCTTCAAGGTCAA
TTCAAGCTTGAGACTGCCGGCGCTACTGTTGGCAAAGTCACTGAGGTCAACAAGGACACTTTCTGGCCCCATT
GTCAATGCCGCCGGTGATAAAACCGTTGTGCTCGACATGTACACCCAATGGTGTGGACCCTGCAAAGTGATG
GCCCCAAATTTCAAGACTTGTCTGAGAAATATCTTGACGTTGTCTTTCTAAAGCTTGATTGCAACCAAGACAA
TAAGCCATTGGCAAAGGAACCTGGGATAAAAGTGGTGCCAACCTTCAAATTTCTAAAGATAAGAAGGTCTGT
TAAAGAAGTAACCGGAGCAAAGTTCGATGATTTGGTTCATGCCATTGATACTGTAAGATCCAGCTGAAAACCTC
TCCTCTCTCTCTTTTGTAAATTTAAATAATATGATGCAAGGAAGAGTATGCAGGGCAGTATTTAATTTACTC
TATTAGTCTAATGATTTTGTGTACTGCTAAATGTTAAGGAAGAAGCAATTGACCCCTGGGAAATGATTCTGTAT
ATAAAAATATTTGGGACATAGACATTTGAATGTGTACAATGACAGTTTCTACACATTCCAAAAATTATTCCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13236NM_125799|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related
(AT5G64030) mRNA, complete cds

CTGGCATGGGAATCGACTGGTCAACTGTGCGAAATGTCATGGACATGAGAGCTGTCTATGGAGGATTTGCTG
CTGCATTGAAAAATTTGAAAGTATGGGTTATGAACGTTGTCTCAATAGACTCTGCTGATACTCTCCCAATTATC
TTCGAACGAGGTTTATTCGGCATATATCACGACTGGTGCGAATCCTTCAACACCTACCCGAGGTCATACGACCT

TCTTCATGCAGATCATCTTTTCTCCAAGGTCAAACAAGGTGCAATATAGCCGCTTTAGTTGCAGAGACCGACC
GAATCCTCCGACCAGAAGGGGAACTCATAGTTCGGGACAATTCGGAACAGTAAACGAGCTCGAAAGCATGT
TCAAGTCAATGAAATGGGAGGTTTCGGTTTACTTACTTCAAAGACAATGAAGCATTGCTGTGTGTTTCAGAAATC
AATGTGGCGACCAAATGAATCGGAAACACTCCAATATGCAATTGCTTAGAGGAGGCCATGGGTGTGTGTCTTC
ATTATCACCATCTTCTCCAGTTCCTTACTGGTTGGCAGCAAAGAAGGGGAAAGGTTAGGTCAAATTCTT
TTTTGTTATTCAAAGTTTCGATTATATTATGGCAATGGTTACTTCTAATTAGGCAGTGAATTCATCTCATCTCA
TCGAGAGGCCTTTGAGAGTAATTCATTTTTCTTCTACTCACTCACTCCACCTTTGCAACCTATTCCTTCTTCAAAG
GCTTTTGTTCATTTTCTTGTACTCTATGATACTCAAATAGTTATTAATGAAAAATCGTATACATTCTTGCATGT
AGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13237BT004709|Arabidopsis thaliana At2g17350 gene, complete cds

CTCTTTCTCTCCCAGCCATTTCTTCTCTCTAAGACAACCCATTCTCCACCTTCGCCATGTTTCGTTTCTTCAC
TCTCAAACCTAACCAGAACCTCCGTTGAAGACGATTCTGGAAGCTGATTGAGATTCAGTGAAGCTGTTGT
TATTGTTATTGTTGGGTTGTGAATTTAGGGTTTCGAGGTGTAATTGGGCGGAATTGACGATGTCTTTGAGAA
TAAAAGCAGTGGTGGATAAATTCGTGGAGGAGCTCAAGGAAGCCTTGGATGCAGATATTCAAGATCGAATCA
TGAAGGAGAGAGAGATGCAGAGTTACATTGAAGAGCGTGAACGTGAAGTTGCTGAACGTGAAGCTGCTTGG
AAAGCTGAGCTCTCTCGTCGTGAGGCAGAGATTGCAAGACAAGAAGCAAGGTTGAAGATGGAAAAGGAAAA
TCTGGAAAAAGAGAAAAAGTGTGCTAATGGGAACTGCATCAAATCAAGACAACCAAGATGGAGCTCTTGAAAT
TACTGTAAGTGGTGAAAAGTATAGATGTCTTAGGTTTGCAAAGGCTAAAAAATGAGGCTGACATAATGATAT
GATAGTGA AAAAGGAAGAGAAAAAAGGTAGTGTCTTGATTGTGGCCTCTTCTCTCTTAAGCTTGTTATAA
TTTTTTTTTCAAAGCAAATCATTATTAGTTTTGAAAGCTTCTAAGATGTACATGTAGATAATTATTGCTACATC
ATCATGATTGTAGCAGTATTTATTAATCATTCCATTCCATTTTATCCAATGAATGAATAGATCTCCATCTCCAA
GAGAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13238BT015388|Arabidopsis thaliana At2g41945 gene, complete cds

AAAACCTGAAGACGGAACCCGCGAATTCGTTGCCGAACAAAAATCTTCGGAGCGAGCTTGAGTCCAGACATGG
GTACTAGAGAAGTTTACGAACAGAAGCTAAGAAGTGGAATCTGTACCATGAACCCACTATGAATCCTGGGCT
CGGATCGCCTCGTTGCCCTCGCTGTTTTCTTCTTAAACCCGACCCTGATAAAAGTGAATGGGCCGTCAATC
CTGTTCTCCACGATGTTACTGCTGTGGCAGGATCCGGCCTTGGTGGGTTGCTGAGTGCAGTTCATGCCTATAAT
ACAGGGATCCCACACCTCCAGAGTTATGTGAAGGGACCAAAGTGCTTCTTTTGTAAATTGGGGTGCCCGCCC
TATTATTGTGCTCGAGTGCTGGAGCTACATTTGGAGGTTTTGTTCTTCCAAGATTTACTCAACTCACTGTAACAT
CCTACTATGCCACCTCAAGTGCTTCCATTATGGAGTTTCACTTCTCACTCGAAGAATTGAAGACAATCACACAT
CCCAAACCTCAGCAAGCAAGCACTCAGTGATTTACAGGTGGCATAATTTCAAGCAAGGAATCTTCTTTTTTATT
TTCCTATTCTTTTTTCTGATGGAAATTTGCAAAGTCATCTTTGGCTGTAGATTTAGTCATTTAGAACGTCTAA
TTTGTTTTTGCTTTGTGAAGACACCTACCAATGTATGTAAATTGCAGAGAGTCTCTGTTTTGCAGTATAATATC
CAAGTAATAACGTTATTAGGGTGGTGCGACTTTCAACTAACGAAGGAATATTGTTGAGAAATTTGTATACCTTG
CTGAATAACACGAAAACCTTACAGC

>trans_s_13239NM_129240|Arabidopsis thaliana ACT domain-containing protein (AT2G36840)
mRNA, complete cds

ACCCTAGTTCAAATTGTCTGTCAAGATCACAAAGGTCTTATTTATGACATTATGAGAACTCTCAAGGACTACAA
TATTCAGATCTCGTATGGACGATTAGTAAGAAGCAGAAAAAATATGTGAGATTGACTTGTTTCATCATGCAA
GCTGATGGAAAGAAGATTCTAGACCAAAGTAAGCAGAATGCATTGTCAACTCGCTTACAGATCGAACTGATTC
GTCCCTCAGAGTAGCTGTCTTGAGCAGAGGTCCCGACACAGAGCTCTTGGTAGCAAACCCCACTGAGTTATC

TGGCAAGGGTCGACCTCTTGTGTTTTATGACATCACCTTGCTCTAAAATTGCTCGACATCGGTATCTTTTTGGC
AGAAATCAGACGCCATTTGATTGGAGATCGAGAATGGGAAGTGTATAGAGTGATGCTTGATGAAGGAGCTG
GGTCTTCGGTTTTCAAGAAGCAAGATCGAGGAAGGAGTCAGGAAGATGTTGATGGGATGGGCATAATATAGA
TGGAACCTCTTAAGTGAAAAATTACATTAGTTAGCCTATATATATAGCTTGCTCTCCAGGTTAAGATGGGCTC
CTCCTCCTTATCTTATTGATGCTTGTAACATGTTTTAAAGTGGTAGAATCGTGTGAATTATGATGTAAAGGTTG
ATATGTTCAAGTCTTTGATAAAACAACCTTGCCTTGAGAGTTATAGTGGTCTCAATTTTATACAGAGCACCTTTT
ACTATTAAGTTGTTGCTAATTACCAAAATCTATTAGTAGTAATACAAAGGTTCTAGTGATTACATAATTTTTTTT
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13240FJ207518|Litchi chinensis peroxidase 5 (POD5) mRNA, complete cds

TGCTCATATCTTCTTCCCCTCTCCCAATTTTTATTAATTTGATAAAATGGGTCGCTTCAATCTCATTCTTACACTC
TCTCTTCTTTCTCTTTCTTCTTCCCTTCCCAACACTCGCCCAACTCCGACAAAATTTCTACGCCAACATTTG
TCCCAATGTGCAAAACATTGTCCGCTCCGAAGTTACCAAAAAATTTCAACAAACTTTTCGTCAGTGTCCCGCCA
CTCTTCGCCTCTTCTCCATGATTGCTTTGTTCAAGGATGTGATGCCTCTGTAATTATTGCTTCCACCGCATCCAA
CAAGGCCGAGAAAGACCATCCCGATAACCTCTCCCTTGCTGGAGATGGATTTCGACACCGTCATTAAAGCTAAA
GCTGCCCTCGACGCCATTCTCAATGCCGAAACAGAGTCTCCTGTGCCGATATTCTCGCTTTAGCCACCCGTGA
TGTCATCGCATTGTCCGGCGGACCGTCGTACGCGGTGGAGCTAGGAAGATTAGACGGTCTGGTTTCTAGAGC
CTCGGACGTGAACGGTAGACTCCCAGCACCAACCTTCAATCTCAATCAGCTCAATTCTCTATTTGCTGCGAATG
GCCTCACGCAACAAGACATGATCGCTCTCTCAGCGGCTCACACCGTCGGATTCTCACTGTGAGAAATTCTCG
AACCGAATTTACAACCTTTGCCCTGGGAGACCAGTGGACCTACACTAAACCGAACCTATGCAACCCAGCTAC
AAGCGATGTGCCCAAGAACGTGGACCCGAGGGTGGCGATTAACATGGACCCAATCACCCCAGAGCGTTTG
ACAACGTTTACTTTAGAAATTTA

>trans_s_13241AY113065|Arabidopsis thaliana At1g04990/F13M7_1 mRNA, complete cds

GTGCTCTGTATAATGGGGAACTTCCAGAAAGAATTGGGCAACCCGACTGTGAGTACTTTCTGAAGACAGGGA
CCTGTAAATATGGAGGGTCATGTAAGTATCATCATCCAAGAGATAGGCGTGGAGCTGGGCCTGTTACATTTAA
CATTTTAGGCCTTCCCATGAGACAGGAAGAAAAGTCGTGCCCTTATTATTTGCGCACTGGATCGTGAAATTTG
GAGTTTCGTGTAAGTTCAATCATCCTCAGCCATCACCAGTTGGAAATTCGTTACCTCAAGCTAGACCTGGTGCG
TTGGGTTCTGGAGGCACTCCATTCATGCCTTCATCTGGTGTGCCATATACTGGTGGAATTCCTGCTTGGTCATT
GCCTAGAGTACAATATATGCCTGGTCCATGTGTACAAGGCCAACAACTTATGTGCCTGTTCTGGTTTCTCCAT
CACAGGGTGCTATAGCTGCTCAAGACTGGAACACTTACGTGAGCAATGTCAATCCTATTCTTCCGAATCTTGGT
TACAACTCTATCAATTTGGAGGACTCATATTCTAATGGGCAGTTGGCCTTATCAACATCAACTCCAACACTACCT
GATCGACCTGATCAACCAGAATGTCGTTATTTTCATGAACAATGGCACATGCAAATATGGTTCTGATTGTAAATT
CCATCATCCGAAACAAAGAATTGCACAATCAGCAACGAATGCACTGGGACTTCCTTCAAGACCCGGACAAGCT
ATATGTTTACTACTACAATATGTATGGGCTGTGCAAGTATGGGCCAAGTTGTAAATTTGACCACCCATCTCCAC
ATATCCTTATAATTTATGGTTCCCTCTG

>trans_s_13242BT002660|Arabidopsis thaliana At1g79260/YUP8H12R_40 gene, complete cds

AACACCAACACAAACGCGAACGAGTGAAAATAGCGTCAAAACAGCCATAGAAATGGACGGAGAACTGCCGC
CGGCATCGGCTCCGGCTCCACCGTCCATCCATCCTGCCGTAACACCGCTATCATTCTTACTCGGAACATGGAGA
GGCAAAGGCGACGGTGGATTCCCTACCATTAATTCCTTCTTACGGCGAGGAACTTCACTTCTCCATTCCGG
CAAGCCAGTGATTTCTACAGTCAAAAGACTTGAAACTCGATTCTAAAGAGCCAATGCATGCTGAGAGTGGC
TATTGGCGTCCCAAGCCCGATGGTACCATTGAGGTAGTCATCGCTCAAAGTACTGGTCTTGTGAAGTTTCTGAG
AAGGAACCTTTAATGCAGAAGAGAAAAGTGATAAAGCTTCAAAGTGAACCTGTGGGAAATGCTTCTAAGGTGA

AAGAAATAAGCAGAGTGTTTAAATTGGTGGATGGAGAACTTCTACGTGGTTCAGATGGCTACTGCCTTAAC
CAGTCTTCAACCACACTTGAAAGCCTTGCTCACTAAAGTTTGACGCAATAAAATAAGGTTAAATCATATAAAAA
AATATCCTTCTAACCCTTTTATTTATTTTAAATTACTCTTAATACTTCTAAAAGTTTGCAATAGTATCCTTAAATT
TTCATAAACGTTTTGAAAATATTGTTGGAGTAGAAATTCTTACCATTGCGGCAGAACTAAGATGAAATAATG
TAGTGTAGGTGGCTTGAATGAAAATTTGAATCACCACATTGTTAGGTCATAATCATGCAATTCTAAATCCTGA
TTTTTTGTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13243NM_114198|Arabidopsis thaliana ATMIN7 (ARABIDOPSIS THALIANA HOPM
INTERACTOR 7); guanyl-nucleotide exchange factor/ protein binding (ATMIN7) mRNA, complete cds

AGGATTCTAGTGCGGTAAACAATGTTGACAGAATAGCTGAAAACAGGCTAGTGTCGTTCTGTGAACAGGCTCT
TAGGGAGGTATCTGACCTGCAATCCTCTGCAGTGGAAACCACGCACATGGATGTTTCATCGAGTTTTGGAGTTA
CGTTCTCCAGTGATTGTTAAGGTGATCAAAGGCATGTGCTTCATGAACAGTCAGATATTCAGAAGACACCTGA
AGGAGTTTTATCCTTTGCTTACAAAACCTGTATGCTGTGACCAGATCGATGTTCTGCGGAGCACTTGGTGATCTC
TTCAAGATACAATTGAAAGCACTATTGCCGTAGTTTCAATTGATTCTTTGTTCTCAAAGAGTGCTTTTAAGCATT
GTTGCACAAAATGAAGCTGATCATCATTGCATCACTCACCTATATCCGCCATATGTTTCATGTCCCTCAAAATCG
AGTTCTCTCCCTTCGGATGACAGTTATTTCTTCAATGTCAGATTTTTTTTTTTTTGTTGGTAGGAGATGGAAGG
AGAGGGTAAAGTAGAAGCTAACCATGGTTAGAAGAGGCAAACAGCAACATATTTTATCGTCACGGATGAAG
TGAAATAATTGATCTTACCGCGTCGTCATGGTAGCCTGGGTAAGAATTTTCAAGATATTATGCCCACTCTCCAAT
TTTGAGGTGTGAATTTGTTACTTGATTACTCAAAGTATTAATTTTAATGACTTGTAATTATTCATATTAGTTATA
AGCTCATTTGAGTACAAAGCTTTTGTATATTTCTATATATTCTACTTTTCAATATATGGTTATATTCTCTTGANG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13244NM_001123884|Arabidopsis thaliana SP1L1 (SPIRAL1-LIKE1) (SP1L1) mRNA,
complete cds

ACTGCGTGCTTGCTACGACTACACACCACTCTCTCCACTCTCATTTCTTCCTTCCTTCCCTTTAACTCCGAAGTT
CGCCTCAGATCCCATCGTCGCCCCAGGCAAGCTTCTGAGTTGTGACATTTCAAAGAAACCGAAGAGCCATGGG
GGGTCGTGGAGTTAGCAGTGGTGGGGGCGAGAGCTCACTGGGGTACCTGTTTGGTGATGGAGATGCTCCTA
ATGCAGGTGCACCAAAGGTGGCCGCAAGCACCGCCGCTTCAAATGAAGGGAAGACTGTATCCAAACCAG
CAGTGTCTAAACCTGCTGCTACTGCTTACCACCTGCAGATATTACCAAGCAGATTCCAGCTGGTATTACAGT
AGCTCATCAAACAACTATTTGAGGGCAGATGGTCAGAACACTGGCAATTTCAATTTGCCATCGGCCTTCAACCA
AGGTTACGCGCGCCCGGGCGGGGGATCTTCTCTGGATTATCTGTTTGGTGGTGCTGGTGAAAATGAAACCT
GCAAATCAGAACTAAATAGAGCTATTTGACGATCCATTTATGTGAATTTTTATATCATGTGCAAGGGGGCAATG
TTTTTTCTTTTCTTTTCTTTCTTCCATCTGAAACGATACTATGGCGGGACTATATGCTTTTCGATGTAATGTGT
AGATGCTTATGGTTTCTGCTCTCTGTTCTTGGGTTTTATTCGGTCAAATTTTATTTTGGATTATGAAAAGCTG
TTGTGAGCTTATCTGTGTCTGTGAGGGATCTTTCTTACAAGTAATGGATAAACTCTCTTTTATCTTCTAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13245NM_001185739|Oryza sativa Japonica Group Os01g0871350 (Os01g0871350)
mRNA, partial cds

ACAGATCCTACCCTTTCTTCAGCTCTTCGGAATCTTAAGCTTCCCCTTTCGCCACCAACGGGGGGAATTACAG
CACAGGAAGGTGCTGAGTATCATCAGGATTCTGACTTTCTGTACTTTTTATTCTCGACAATGACTTGCAGCTAG
GAACTTGAGTGGGAGATCCTTTGGACTATAAATATGAGCCTGGCATGTCTTGATGCAATAGCGTAGAGAGCC
CTTCACACTCGTTCAGGAGCTATTCGGTTTTGAGTTCAGACAATGAGGGAAGATGTTCTGCAATGGCCAATG
CCTAATATGGAGACCATCTTTCTCCAACACACACCCGTCATATGCAGCATCAGCCAAGGTAACCTCCCAAC

CAACCATTTCCAACAGCAATGTAATGGATGGAACGCCAAGGTTGGTGCGGAGCCGGGCAGTAAAAAGGGAC
CTGGTACGAGACTGGAATTTTCGATGAGGTGGTTGTAGTTCAGCATTAGTATGTTTTATATTTGAGACAAGGAT
GGGAAGAGAATAGGGTCTTCAAATGAACATGGGTGGTGCTGACCTGAAATGATGGGAGGATAGCATCTTGCT
TCCTATGTATTTTTGTTTTCTTGTTGGTACAACCTGAACCTCACACTTCCATTGGGAGAGTTTGACATTTGTAAGC
ATGAGAAAAATGAGATTTAGAACTTTGTATATATATAACCTAAACATTAATTCATAGGAGGCAAAGTTGGG
ATGGGTTTAATTAGTTTTGTAACTTGGATGGAATTGTGCTTTCAAAAATTTCCATGATATACACCAAGTTTAT
TTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13246FJ604856|Vitis vinifera strain DAHPS01 3-deoxy-D-arabino-heptulosonate-7-
phosphate synthase mRNA, complete cds

TGTTGTCCTTATGTTTGGTGGACAAATGCCTGTCATCAAGGTGGAAAGAATGGCTGGTCAGTTTGCAAAGCCC
AGATCAGATCCCTTAGAGGTGAAGGATGGAGTAAGTCTGCCAAGTTACAAGGTGACAACATCAATGGCGAT
GATTTTACTGAGAAGTCAAGGATTCCAGACCCTGAGAGGATGATTAGAGCTTACACTCAATCTGCTGCAACGC
TTAACCTTCTTAGGTCCTTCGCCACTGGAGGATATGCTGCAATGCAGAGGGTCACTCAATGGAATCTTGATTTT
GCTGAAAACAGTGAACAGGGTGATAGGTACCATGAACTTGCTCGTCGTGTCGATGAGACCCTTGGATTCATGT
CTGCTGCAGGACTTACTGTGACCATCCTATTATGACAACAACTGAGTTCTGGACCTCTCACGAGTGTTTACTA
TTGCCATATGAACAATCACTTACCAGACTGGACTCGACATCTGGCCTTTACTATGATTGCTCAGCTCATATGCTT
TGGGTTGGGGAACGAACCCGACAACCTCGATGGTGCCACGTAGAGTTCCTTAGAGGGGTTGCTAACCCCTCTG
GGAATTAAGGTGAGCAACAAAATGGATCCAAATGAGTTGGTTAACTTGTTGAAATCCTCAACCCTGCTAACA
AACCAGGAAGGATAACTATCATTGTAAGAATGGGTGCTGAGAACCAGAGAGTAAAGCTTCCCCATTTGATTA
GAGCCGTACGAAAGGCAGGGCAAATTATGACATGGGTCTGTGATCCAATGCATGGAAACACCATTAAGGCAC
CTTGTGGTCTAAACACGTCCATTTGATGCTATTCT

>trans_s_13247AY064216|Capsicum annuum receptor protein kinase-like protein mRNA, complete
cds

AAATCTTTCTAAGCTTCGCCATCGCCACCTTGTTTCATTGATTGGCTACTGTGAAGAGAATTGTGAAATGATTC
TTGTTTATGATTACATGGCTCATGGAACACTGCGAGAACATTTATACAAGACTCACAAGCCACCGTTGTCTTGG
AGGCAAAGGCTCGAAATATGCATTGGAGCTGCCCCTGGTCTGCATTATCTTCACACCGGTGCAAAGCATACCA
TTATTCATAGAGATGTGAAGACAACCAATATCCTTTTAGACGAAAAGTGGGTGGCAAAGTATCTGATTTTGG
GTTGTGCAAACTGGTCCTACTTTGGATCACACACATGTTAGCACTGTTGTGAAAGGTAGTTTCGGATACTTG
GATCCTGAATACTTTAGGCGACAGCAATTGACCGACAAATCAGATGTTTACTCCTTCGGAGTCGTTCTCTTTGA
AGTCCTAGGTGCTCGGCCAGCCTTGAACCCAACACTCCCCAAGGAGCAAGTGAGTTTAGCTGAATGGGCTGC
ACACTGCTACAACAAAGGAATTTTAGATCAGATAATCGACACATTCTTAAAGGGAAGATCGCATCAGAATGT
CTCAAGAAGTTCGCTGAGACAGCAATGAAATGTGTGTCTGATCAGGGAATCGACAGGCCATCGATGGGCGAT
GTTCTCTGGAATCTAGAGTTTGCATTGCAGCTGCAGGAGAGCGCAGAAGAGAGTGGCAAGGTAGGCAGTGG
GATGGATGTGGAAGAAGGTCAACTGGATGTAGTTTACAAAGGGAAGAAGGATCCAGATGCTTCCCCCGGCAT
TGATGGAAACATAACCGACTCAAGAAGCACCGGAATC

>trans_s_13248NM_111230|Arabidopsis thaliana SWIB complex BAF60b domain-containing protein
(AT3G03590) mRNA, complete cds

ACCAAGTTTCAGACTAAGTCGAGCGGAAGCGGTCAAAAACCTAGCAGTTAACGTCGTCTTCATCGGAGCAA
AATGGCCTCAGGTCTTAGCAATGGCACCAGGTTCTTCAGAGGCTGCAAACTCTCTTAGATTCTCTCAAACCCA
CCACTCAAGCTTACTCTTCTACTCCTGCGGTCTCTTCCAAGAGTAAGCTAAAACCCCCAAGTGCCGCCGTTTCG
GGCCAAAAATCGAAAGCCGCACCAAAGAGACAGACGAATCTTCGGGCGGGATTATGAAGTCCTTAAAGTT

TCTCCGACTCTCGCTGGCTTCCTTGCCAGTCCGAGATTCGCGCGCTGATGCCATCAAGCAAATATGGTCGTA
CATCAAGCTGAATAACCTCCAGAACCAAAGTATAAGAGGCAGATCAATTGTGATGCAAAGTTGAAGGCCAT
ATTTGGTGGGAAGAGAAAAAGTGGGAATGCTTGAGATTTCAAATTTCTTTCCCCTCATTTTGTGAAATCTGGTT
AACCTAAGCTTTCTGTGCATTATTGCCTTAGCTGTTCTAATACTTCTCTAAACCTCTCTCCAAATCCTTGTGAT
GTTTTGTTATGTTCTATTAGTTTTGTTAGTTTTGTTGGTTTTGTTGGCTGATCCTATGACATCATCTTCGCC
ATTTGGTTTTACTCAGATTTAGGAAGAGGGGGTGTTCCTGTTTAGACATTGTTGACTAATAGTACTTTTCATTA
ATTAAGGAACCTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGAAAAAAAAAAAAAAAA
AAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13249AF485268|Gossypium hirsutum bacterial-induced class III peroxidase (pod6) mRNA,
complete cds

TGCTTCGTTCCGGGTTGTGATGCCTCCGTGCTCCTTGCTGGCGCTAACAGTGAGAGGACTGCATTACCAAACC
TTTCGTAAATGGGTTCTGAAGTGATTGACGATGCTAAATCTCAACTTGAAGCTGCTTGTCTGGCGTTGTATCT
TGTGCGGACATTCTTGCTCTCGCTGCTCGTGACTCAGTAGTTTTGACAAGTGGAATGCGTTGGGGAGTGCCCA
CAGGACGAAGAGATGGGACAATTCGGTGGCTTCAGAAGCTAACAACTTGCCTGGATTACAGATTCTATTGA
GGCTCAAAAGCAAAAATTTAGTGATAAAGGTCTCAACACTCAAGACCTTGCTACTCTCGTGGGTGGACACACA
ATTGGCACAACACAATGCCAATTTTCAGATACAGACTCTTCAATTTACAGCAGCCGGCGGTCCAGATCCAAC
CATGGACCCAGCCTTCGTGACTCAAATGCAGGCACTGTGTCCTCAAAACGGAGATGGAACCCGTAGGGTCGG
TTTGACACGGGCAGCGTCGGGCGTTTCGACACAACCTTCTTCTCAAACTTAAGGAACGGACGTGGGGTTTTG
GAGTCGGATCAGAAGCTATGGACGGACGCTTCCACTCGTACTTTTGTACAACGGTTTCTGGGTTTGAGAGGCG
TTTTGGGTTTGACCTTCAATCTTGAGTTTGGGAGATCTATGGTGAAGATGAGTAATATTGAAGTTAAACTGG
AAATCAAGGAGAAATTCGTAAAGTTTGTCTGCAGTTAATTAACTAACTACACATGAAATCTTTGTATTAATT
TTTCTTTTACATTATTGCAATGTTTAAAGTAAAA

>trans_s_13250NM_001053826|Oryza sativa Japonica Group Os02g0592200 (Os02g0592200)
mRNA, complete cds

ATTCTGAACATCTAAACAAGCATCCGATTATCTTTTATCAGGGCACGAGCTTCCCGAATCAAATTCTGCCATTT
TCAAACAAATTCTGCGTCCATCAGGAGGAAAAAATATATAGATGGGCAACGAGGCAGGATGGAGCTGGTGAC
GGTTTTTCATTGTGGCGGGAGTGGCGGTCACTGGATTCTTTTTCTAGCAGCAGTGCTTACAACAGGAGCA
ATTGATGGAGACTCAGCCCGTGGTATCCAGGATTGCGTTTGGATCATGCGCCAACCAGGATGCTCCTCAGCCA
ATCTGGAATCCATAATCAACTTTGACCCGCATGTTTTCATTTGGCTTGGCGATAACATCTATGGAGACATTAG
GCGTCCATTCAAATTATTTGGTCGAGAAAGGACGGTGGGACCATGGAAAAATGTTCCACGTTTCATTCTTCAT
CTAAGCAGGAAATGATGCTCAAATACAATAAGGGCAAGACAATTCCAGGCTATTCTTGGCTTAGACAGAGGA
CCAAGGTAATCGGTGTCTGGGATGACCATGATTATGGATTAAATGATGCTGGAAAGGAATTTACCGAGAAGG
TCACTAATCAGAAGCTTCTCCTTGATTTTTTAGATGAACCTCTTGATAGTCCAAGGCGCAAGCAGCACGGTGTG
TATGCATCATATATGTTTCGGCCCTATAGGTAAACAAATTAAGGTTATCCTATTAGATACTAGATATCACCGTGA
TCCGCTGTTTAGTGATGGAATTTTTGGGTACTGCTNCATGGACGTGGCTGAAGAGGGAGCTTAAGGGTCC
AGAGTCGGCAGTAACAATAATTGGGTCATCCATT

>trans_s_13251NM_100583|Arabidopsis thaliana LSH6 (LIGHT SENSITIVE HYPOCOTYLS 6) (LSH6)
mRNA, complete cds

ACTTTATTTTCTTCCCCCTTCTTCTCCTCCTCTTCTTCTTCTTTTTTAATTTGCCTCTCATGTCTAGCCGCCGTC
GCTGCCGCAGCCGCCGCTGCCCTCGGCCGTCGCACCTCCTCCACTTCCACCCCTTCTCCTCCGATTCTTTCTAC
TCCCACTACTACCCCTCGGCTTCCGTCTCTGTCCGACCACCGCCATTGCTCAGCCGCTACGAGTGCCTCAAACG

CCGTGACTGGAATAGATTCCGCCAGTACCTGAGAAGCCGCTGTCCGACATTGAGCCTCGCCTGTTGCAGTGGA
GCGAATGTCGTCGAGTTTCTCTGTTATCTCGACGAACTAGGGCAGAGTAAAATTCATGGCGCCACCTGTCCTA
ATTCGCGCCAACGTTACCCGGTGGATCCTTACTGCGATTGCCCAACTCAACAGCCGTGGACTACTCTCGTTGCT
CTCATCGGCCGACTCCGTGTCGCTTTGAGGAAAACGGCGGAAATCCAGTGACGAACCCATTTAACTGTCTG
ACGTCAAAGTTTATCTCAACGATGTTAAGGATTCTCAAGAAAGATCCCGAGGAATTGATCGGTAAGAGAAGG
GAAGGGATTAAGAATGAAAATTGAATTTGTTCTGCTATATTCGACGCCGAGCTCGGTGGCTATGGCGGATTCT
GATCAATCATCGACCGAACTGACATGATAAGTTTGATGACTGTGAAGGAGTTCTAGATATATTTGGATTAAAA
GGATTAGATGACACTCCCAAGAAGAATTTGACTGATAAAAATGCTTAATTTGGGTTTTTATTTTTTTGTACAA
ATTAAGAAGAACTTTTAGTTGAAAGGG

>trans_s_13252AB013853|Vigna radiata ARG8 mRNA for GPI-anchored protein, complete cds

AAGTGGAATAATTCAATTCAACAGCCTGTCTCTCTGCTTCTCGTCGGACAACAACGACCTTCTCCTCCTCC
TCCTCCCTCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCGCCGGAATTATGCTCTCCACCGATCCTTCTTCA
ACTTACCAATGCTTCTTCTCTTTTCTCTCACTGCTTTTCACTTTTCTTCTCTACTTCCATTTCAAGGAAATCTCT
TTGAATCCAACCTTCAATCGGTGCGAACCTCCTACAGGCTAAAAAAGCTTGTCCAGTGAACCTTGAATCTTG
AATTACACCATCATCAAGCAAGTGCAAGGGGCCCTGATACCCTCCAAGCTCTGTTGTTCTGCTTTGAAAGA
ATTTGCTTGCCCTTATGTGGAAGATATCAATGATTTAACAAATGATTGTGCTTCGACCATGTTCAATTACATTA
CTTGATGGAATAACCTCCTGGTCTCTTCTCTAGCGAGTGCAAGGAGGGGAAGGAAGGTCTAGAATGCCCC
GCACTCCACCTCCACTTCAGCTGATCTAAGTTGGTGCTCGAAAACAAGCTTACCATCGTATTCAGTATTCTC
TTGACTGGATTGCTACTGCTGTTATGGCTATTATGATAAGGTCCAAATTCCTTCCATTTTTTCTTCCAATTTGT
TACTGTACGTTAAACATACTTGAAAAATTGCAATCTTTATTACCATGTATTTATTATAATAGTTCCAAAAGCTA
AACTTGTCTATCTATCTTCACTTTGATAGCTGTGGTAAGCGAGTTCTTATTCATGAGATTGAACTCCAAAAATT
TTATTTGAGGT

>trans_s_13253NM_127967|Arabidopsis thaliana MIF4G domain-containing protein / MA3 domain-
containing protein (AT2G24050) mRNA, complete cds

GAAAACAAGTGCCTTGCTACAAGGTAGTGCTGCGACATCTCCTGCCCCGACCACCAAGTTCATGCCTGTCGCT
CTCAACCCTAAACCTGTTGCTCCGGTTGCACCTGTCGATCTTCTCCTCAGAAGTCCGCAGTTCCTGCTACATCC
AATTTAGCTGATCTTCAAAAGAAAACCGTTTCGCTGCTTGAGGAGTACTTCAGTGACGGATTCTTGATGAAGC
TCTACAGTGTGTAGAGGAGCTGAAATCCTCAGCTTATCATCCTGAGGTTGTTAAAAAATCCCTTACCATGGCAC
TTGAGAAGATTCCACCACGCGTAGATCCAGTTGTTAAGCTTCTTGAGCACTTGCTTTGCAAGAATGTCTTGACT
GCAAAGGATATAGGTACTGGGTGCTATCTATACGGTTCACAGATGGATGATATTGGCATCGATCTGCCAAAAG
CGCCAAACAATTTGGTGAGATTCTCGGGATGTTGATTTTGATCGGGGGTCTGGATTTCACAGTTGTGAAGGA
GATCCTGGAGAAGCTGGAAGATAACTACTTCCAGAAATCCATATTTGATGGTGCTATGAAGACCCTCAAATCT
AGTCCTTCTGGAGAAAGAATTCTTGCAACTCAAAGCGTTGAGGTCCAGGCATGTGAACTTTACTTGCGTGAA
TTGAGTCATGTGGGATTCATTTCCCATACGTTTTTGATCAAAAAAATTTTCATTTATGTTTTACGTTCCGATCG
CGAAAAAGACAAATAACTGATCATTTATATTGAGTTGTATTTCTTCTTTTCTCTTTTTTTGGGGGGGGGG
GGGGGGTTCTATTCAGTATCAACTTG

>trans_s_13254NM_102109|Arabidopsis thaliana ATSAC1 (suppressor of actin 1);
phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 5-phosphatase (ATSAC1) mRNA, complete cds

AGGCTTGGGAAACGAAACCCGCCGATCAACGACCAATTTAGGCTTATATCTCACACAAAGTAATCTTCGAAA
TCCTTGAGATGGAGCACCACAAGAAGGCTAAAAAATTTTGCTGACTCGAACGGGGTCATCCACTAAGAAG
TTGAAGGGGAGCAATTAAGGAGGAAAGAGAAAGATCTGGCTTAGCCTCCTTTATTGCTCGTGGAATCCAA

GGGCTAATCATGATTCGTTTTCTTCTTCTCTCTCTCTCGGCCAGATCTCAGCTCAGTTTTAGAATGTGCTA
CATCAGTCTGGACGGAGACGTGTGGAAGTGAATTAATTGGGTTTCATCTATACCATATATTGCATGACCACAT
ATACATCCAATTTGCCGACGCTTGGTAACCAAAATCAAATAATAAGACTCCAAACATTTAATGCAACCTGCAAT
ACCAAAAGCCTTTGTAACCGGGTTTAACCCCCCTGTAGCACGATTCCCTTCGGCAATTTGCTGACGGAGGTTCC
TGATTTCTTGACAGGAATACACTACCGGGTCTTCACTGATATTGAGTTCCGATGGTTCGAGCGATCGATCTC
AACACTCGGAAGAATTTCTGTAGCGATCGCTCCCGATCAGATAATACCTCGCTCTGGTTTCGTAAAGTCTGAA
TTTCTCGAGAGAATATGAATTGTGATCAACGTCGGGGTCATTTGAGGGGTGAACTTTGGCATAGGGTGGCGG
AGGCGGAATGGAACCTTCTGCCTTACCCATATTTCTCGAGGTTGGGGATGATGATGGCTGTGGATAGGTTACG
GAATTGGTTCTCATCACCGTTGGTTCTTCTT

>trans_s_13255AJ890498|Prunus persica mRNA for endo-beta-1,4-glucanase (eg4 gene)

TATGCAGTTTGTTACCAGCGCTTCTTCTAGCCACCGTCTACTCCGACTACCTTTCTTCTCTGGCGGAACTT
GAAGTGCGCCGCCGGGAATGTCCAGCCTTCCGAGCTTATTCGCTTTGCAAAATCCCAGGTGGATTACATTCTT
GGGGACAATCCAAGAGCTACGAGTTACATGGTGGGATATGGAAACAATTACCCACGACAAGTCCACCACAGG
GGATCTTCCATTGTTTCAATCAAGGTCAATTCTGCCTTTGTGAGCTGCAGGGGTGGCTATGCAACATGGTACAC
AAGAAAGGCAAGTGACCCAAATCTTCTCACTGGTGCTTGTGGGTGGACCTGATGCCTATGACAACCTTTGCT
GATGAAAGGGACAATTATGAGCAGACTGAGCCTGCTACTTATAACAATGCCCCACTTCTTGGCATTTTAGCCA
GGCTCAGTGGTGGGCATAGTGGCTACAATCAGCTCCTCCAGTGCTTCTTCTCCAGTTAATCATCCAGACCCA
TCTGCACAATCCAAGACACTTCCATCTCCAGTATCGTCTTCTACCCCAATTACCGTAGAGCAGAAGATGACGAC
TTCCTGGACTGCTAAAGGAAATACCTACTATAGATACTCTACAAAAGTGACCAACAAGTCAGCAAAAACCTCTC
AAAAACCTGAACTTTTCGATATCTCAACTTTATGGCCCTCTTTGGGGGCTGGAGAAATCTGGTGAATCATATGT
CTTCCCATCTTGGCTTAACTCATTAGCTGCAGGAGAAAGCCTTTGATTTGTTTACATTCACACTGCTTCTCCAGG
CAAAGTCTCGGTTTCCAGCTACACTCTC

>trans_s_13256DQ150259|Vitis pseudoreticulata aldehyde dehydrogenase (ALDH2b) mRNA,
complete cds

ATTGTATGTGACGATGCTGATGTAGACAAGGCTGTGGAAATGGCACACTTTGCTCTCTTCTTCAACCAGGGAC
AATGTTGCTGTGCTGGTTCTCGTACTTTTGTTTCATGAAAAAGTATACGACGAGTTTCTAGAAAAAGCAAGGAA
CCGAGCTGCAAACCGTGTTGTTGGTGATCCTTTCTTAGGTGGAATCGAGCAAGGTCCTCAGGTTGATGGCGTA
CAATTCAAGAAGATATTGAAATATATAAAATATGGGATTGAAGGTGGAGCCACTCTGAAGCAGGAGGAGAA
AGGTTTGGTTCCAAGGGCTACTATGTCCAACCAACAGTTTTCTCAAATGTCAAGGATGACATGAAAATTGCAC
AGGAGGAGATTTTTGGTCCAGTACAAACAATCCTAAAATACAAGGATATGGATGAGGTGATAAGGAGGGCG
AATGCAAGTCGTTATGGACTGGCTGCAGGTGTGTTTACTCAAACATCAACACAGCCAACCGTTGACACGCT
CGCTGAGAGTCGGGTGAGTATGGATCAATTGCTTTGATATATTTGATGCTGCAGTTCCTTTTGGTGGGTACAA
GATGAGTGGACATGGGAGAGAAAAAGGGAATTTACAGCCTTAACAATTACCTGCAAGTAAAGGCTGTGGTCAC
TCCTTTGGAAAAACCTGCTTGGCTTTAAGATGGATGAATGGATGAATCCCATTGCATACGTTTCTCCCTTTTCTT
GTTCTTTTGTGTTTCACATTGTCACCAATAAATAGAAGAGTCCAGATTTAGAAATAAATAAATAGATCCTTT
CTTGACTTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13257HQ323257|Vitis vinifera sucrose transporter (SUC12) gene, complete cds

CCTGGCCACCAGGAAGAAGACAGTACTTCTGCTTCGGCACAAAGAAGTCAGTTCATTTCCAGTGCTGGTAACG
CAGTGACCATGGCCCAGGAAGTAGTCAAACCATGCTGGCCATGGGTTACGTGCTGGGTAAAGACACATTCA
CCAAAGCTAAAGCCTTCGATGAATCTCATCAGGTTTCAGCAACGGCAGCAGCTAAGGTAGCAGATTTGAGTCA
TAGAATTGGCCTTACTGACATGTTAGGTGCGGGTTTTGAAGCGGTTAAATCCGTAGATGAGAAGTACCACGTA

TTGGAGACCACCAAATCAGCTATATCAGCCACAGGAAGAACAGCCGCTGCCGCTGCCGATACTGTGGTCAGG
AGTAGCTACTTCTCTAGGGGAGCTCTTTTCATGTCTGATGCTCTGAATCGAGCGGCCAAAGCTGCAGCTGACTT
GGGTAGTCGTGGTCTTGAACATTAGTGCAGAGAGTGTCTCTATCTCATCCATTGTAAATAAAGAAATTTAGA
TGCATGCCTTTAAATTTGCAAGTATTACGATATTTTATTAGATGGTACATTCATCTAAATGCTGTATGTATAAGT
GTAAACTTTAAATTTACAGAGTTCAATTACACGTAAGTTATTTGACCCCAAGTTTGCTAAATTTTAACCT
CAAATTCTGTAAATTTGGATCAGAGATGGTCTTTGTTGAGTCGTTTGTAGTTTGTAAATTCAGTACCTTGGG
GTCAAATCTATTCTTTTAGCACTCTTGGAAACATCTCCAATTTGTACTTTTACAATCCTTCCGTTTACAGATTG
TCTTTTCCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13258BT015621|Arabidopsis thaliana At2g32650 mRNA sequence

ATTTTGCTTCGACCTTTCAACTCGTTTTCTTTCATTTCTTCAAATCCGTGGGCAATTTTAAAGACAGTTTTATCC
ATCTTCTGTACTAGTTTGTGGGCTTCAGCATTCTCTGAAGGTAGCATTATATATTGTTAAGCATGGCGAGT
ATGCTGGCTGCTCCTACAATGGCCTCATTTTCATGTGAACATAGGGAGCAAAAAGTATACAAAGTTGAAGTCTA
CCATCAAGGGATCTCACAGTATAAGGGCTATGCGGATAGAGAAACCTCTTGAGGAATTGTACAATGTAAAG
TTGAAAGGAAAGTATCGGAGGAGCGCCTTTCCAGCTTGGAGTTTCGAGATGGTCGGTATGGAAAACAGGAA
AGTGTAATTTGCCATGGGATTGGCAAGCAGATCAACTGGTATACATTGAGGAAGGTGAAGTGAGAGTGGTTC
CGGAAGGGAGCAAGCAGTACATGAGTTTTGTGGCTGGAGACCTTGTTTCGGTATCCGAAGTGGTTTGAAGCTG
ACCTATTTTTCAACGGACCGTATCTAGAGCGGTACAGTTTCAGAGCATATGGTGATGACCACTAGTCTTCCAT
CCTTTCAGAGCGAAAAATTCGATTTCTGTTTCTAGAAGGCCATCAGTTTCAAGTTAAAAATATATTTTCG
TTAAACATGTCAAGTCTTGAAATCCTGTGAGAGTTTGATGTTTGGCAGGTAGATTGAAATGGACAACAATGTA
NGATTATTGCTGAATTGGCGTTTTGCTGGAAATTCTATGCCAACTCCATTGTTGATTCCGCTCTTTCATACAAT
ATCTTTTGTAAATAAAAAATAATATATAAA

>trans_s_13259HM066996|Medicago truncatula cultivar Jemalong A17 alpha-L-arabinofuranosidase (Araf1) mRNA, complete cds

CAAGGCTTTTGTGAGCGAGTATGCTGTGACAGGATCAGATGCTGGTACAGGCAGTCTCCTCGCGGCCGTCGC
TGAAGCTGCATTTCTCATTGGCCTAGAGAAGAACAGTGACATCGTTGGAATGGCAAGCTATGCACCACTTTTC
GTGAATACTAATGACAGAAGGTGGAATCCAGATGCTATTGTCTTCAACTCTTCACACTTTTACGGAACGCCTAG
CTATTGGGTGCAACGTTTCTTCACTGTGTCAAGTGGAGCAACTCTTCTTGATACAACACTGGATGCTAATTCTG
CCTCTTCCCCAATCGCTTCTGCCATTATATGGAAAAATGCTGAAGATGACAATTACTATCTTAGAATAAAGATT
GTTAACTTTGGAAGCAAACAAGTGAGTTTCAAGATATCTGTAAATAATTTGAATGCATACTCCATTTCGAAATC
CGGGTCATCTCAGACTGTACTTACATCTGTTAATTTGATGGATGAGAATTCCTGAATAACCCAAAGAAGGTGT
TTCCCGTCGAAGTTCGCTTAACCTCCGCCGGCGAAAACATGGACGCGAGTAGTCCCCCAGATTCTGTAAGTTCA
ATTGACTTGCTAATGGAATCTAGCAGTATTAGGATGCCTGGAGGCCATCATTCCTCAGCATCTGCTATCTGAAG
TGGGATACGAACTGATAAGCAACACAGTGAATGCATATAATATATTGTCTGGCAATCTTCAACATTGGATA
GGTTGAGAGGTATATCTTACTTTCCATACCGTTTGCTTCCAAGTGAAATAAACTAATACCTCCCAATGTACAGTT
CCTGGAGACCTCTGGACTGGATCAAGG

>trans_s_13260XM_002325088|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAGGACACCCAAAAATGGCAGAGCCGTCGTCGGAGTCATCATCATGGGCGGAGCTGACTCACGAGTGTCTAA
CCAACATCCTCTCTCGTCTAACCATCGAGCAGCGGTGGCGCGGCCCTATGCTCGTTTGCAAACATTGGTTCCGC
GCCGCTAGGGACCTTCTCTCTTTTCTCACTTCGATCTCGAACCCAGGTTTCGAGTCTGCCCCACCGAGTCTCCG
GCCTGGTGGTTGCCGGAGTTCAGACCAAGATTGATTCCATGCTCCGATCTGCCGTCCGTTGGAGCCTTGGATC
TCTTTCAGTTATTCGGGTTAGACTGCTCCGATTCTTCTCTCGATTTCGTCGCTCAAGGGTGCCCAAACCTTGA

GGTTCTTTCCATCAAGAGCTGCGCCAATGTTACTGATAGCTCAATGGCTAAGATTGCTTTTGGCTGCCAAAAGC
TCCGGGAAGTAGATATTAGCTATTGTCATGAAATCTCGAACATATCTTTGGCATTAAATCGGCAGGCATTGTCCA
AATATCAAGACTCTAAACGAAACTATTTTAACAATCTAGATCCTTCCCAACACAAGGGAATTGTCCCTGACAA
TTATCTAGATGCCTGCCACAAGATGTGGATTGAGAAGCTGCAGCTATTGCAAAATTCATGCACAACCTGCAG
CACCTTGAACCTGGTTTCTCTAAACTATCTGCTAAAGCTCTAACTTCGATCTGTGAAGGATGTCCTAACCTCAAG
TACTTGGATTTGTTTGGGTGTGTGAACTTGACAAGCCGAAATATAGCAAATGCTACATCAAGTCTGGAGAATT
TGGAGATTAGGAAACCAATTTCTAT

>trans_s_13261AF049922|Petunia x hybrida PGPS/D6 (PGPS/D6) mRNA, complete cds

TTCTAAATACGTCTGCTCAAAAACAAAGGTCCAATTCCATTCTATTCTACTTCTTCCTTTTCCGGCTGATTCCAA
CGCCCAGAAATATCACAATCTTCCGACACCGAAATTATGAAGATGAATGTTTTAGATTGGCTGGGGATATGA
CCCATTTGTCCAGTATTTTGGTTTTACTTCTCAAAATCCATACTATCAAGTCTTGTGCTGGCATTCTTTGAAGAC
TCAAGAACCTTACGCCCTGGTGTTTATTACCCGTTATTTGGACATTTTTGACCGATTTACATCAATATATAATTT
GCTAATGAAATTAATATTCTGGCGAGTTCTCTATCCATTGTTTGGTACATGCCACGTCACAAAGCCGTGCGTA
GGTCATATGATAAGGACCAGGACACGTTTCGCCACCAATTTATCGTGTTGCCTTGTCTGTTGTTGGCACTAGTT
ATTAATCATAACTTACATTTAAAGAGGTAATGTGGACGTTTTCCCTATATCTCGAAGCCGTTGCCATTCTTCCT
CAAATGGTGTGCTACAAAGGACAAGGAATATCGATACTTAAACAGGACAATACGTTTTCTTCTTGGTGCCTA
CCGTGTGTTGTAATTGCTAAATTGGGGCTATCGCTACTTCACCGAACCTCACTTGTCCGCTGGATAACTTGGA
TAGCTGGTCTCATGCAACATTGCTGTATGCCGATTTCTTTACTACTACATCTTAAGCTGGAAGAACAACGTC
AACTTGAGTTACCAGCTTAACCTAAAGGGATTAGTGTTGGAATCGTGGTACACTTTGGCAGAAAGTGATAAA
CTTGAAATCTCGCTGCATTT

>trans_s_13262NM_104489|Arabidopsis thaliana NOP56 (Arabidopsis homolog of nucleolar protein Nop56) (NOP56) mRNA, complete cds

AAGGGGAGAATCTCTTTGCTCTGCTCTTTCATTGGAGGAGAGAAACAGTTCGTCTCTTTCCCATGACGTCCACG
TATCTTCTCTATGAATCTGCTTCTGGTTATGCTCTGTTTCATGCCCATGGCCTTGACGAAATTGGGCAGAACACC
GAAGCCGTTAGGAGCTCTGTTTCCGACCTCAACCGCTTCGGCAAGGTCGTGAAGCTAGCTGCTTTTACCCCTT
TGAGTCGGCTCTCGAAGCTCTCAAACAGTGCAACTCTGTCTCCGAAGGGCTTATGACTGATGAGTTGAGGAGT
TTTCTGGAAATTAACCTTCCAAAAGCTAAGGAAGGTAAGGCTAAGTTCGTTTTGGGACTAGCTGAACCCA
AAATTGGGTCAAACATCTTTGAGGAGACTAAAATCCCATGTCAAAGCAACGAGTTTGTCTGGAGCTGCTTCG
TGGTGTGCGTCTTCACTTTGACAAATTTATCAAAGATCTCAAGCAAGGAGATTTGGAGAAGGCTCAACTTGGT
CTGGGACACAGTTATAGTAGAGCGAAAGTGAAGTTCAATGTAAACCGTGTGATAACATGGTTATTCAAGCCA
TCTTCCTTCTTGACACTTTAGACAAAGACGTTAATTCCTTCTCCATGAGAGTCAGAGAGTGGTACTCATGGCAT
TTCCCTGAGTTGGTGAAGATTGTCAGTGACAATTATCTTTATGCTAAACTTGCTAAATTCATTCAAGACAAGTCT
AAGTTGGCTGAAGATAAAATCCCCAGCTTGACAGACATAATTGGCGATGAAGATAAAGCAAAGGAGATTGTT
GAAGCAGCCAAAGCCTCCATGGGTCAGGA

>trans_s_13263BT029737|Arabidopsis thaliana At5g17640 mRNA, complete cds

GGTCTTTCAAAAAATTTACCTCAATTTATCGCTTATTTCTCTGTTTTGTTCTTGTCTTCTGCAA
ATCAAAAGGGGTTGGTAGTATTACCCCGTACCCATCTCTTCTTTATTTCGAATTAATTCAACTGTTTGGTTTTT
GAGAAAATTAACAAAACACCCTTTCTCTTCTTCCCTTAAATTTCTCCGCTATTTTCGTGACAAATAATGCA
GATTTAGAGAGGGGAAAAAGGGTTATTATAAATTTCTTCCCGATTTAGTGAAGAGAGAGGGAAATAG
GGAGTTTCTTTTCTGGGTTTGGTTATTTGGGGTTTGTGAGGCAATCTCGTGATCTGTGAAGTCTTCTTCTAC
GTGACATTCAAGACTTTTGTGCTATGGGGATTGGGGTTTGTCTTTTTAATAGCTTCTGTTAGATCTCTAAG

AACATTCATCCTATCACATTTAGAGAGAAATTTAGAGGGAAAGTGAGGGGGAAGTGGGATTATTTGAGTTTG
GGGGAAATGTTGCTGTTTTCTTCTTCAGGAATTTGCGCTGCTTCGCCTTTTGTGGAGCATTGCAGTACTGTTTC
TACCTGGCAACTAATCACAGAAGTGAATAGGGAAGCAAAAAGAAAAAAGTGGACCGATCAAATATCAATT
CTTTAGGATTGAGACGATTGTCTATATAAGGACACTTGAGCTTGTGCGAAATATTAATGATCTATCAAATGGACA
AAAAATTGTGACCGGAATGGATCCTCAGGCGTTTATTAGGTTGTCAATTGGATCATTGGGATTGAGAATCCCA
GGAACCTCTCTAACTCTACAA

>trans_s_13264BT006266|Arabidopsis thaliana At3g51610 mRNA, complete cds

AAACCTGTTCTTCCAACCATTCAGAAAATTACCTTCGACGATGCCAAATCCTCCAATTCTATCTCTCCTCCTTTCC
TTATTGTCCCTCGTTCCCATTTCTTGGCTTACAGGCCTGGAGACATCGTTCCCATGAGCAAGATGGGACAGTA
TCACTCGTCGAGAACGGTTTGGCACGATATGATAGGTCGCCATTGTCCAATTTTTGGCGTCAATCGCGAGGTT
TTAGTTCTATACCGAAACCGGTCGGCTACACAGGAGCTGATCCCTATAAAATATCCTTTCAAGTTGGAAAAG
AGAAGTTTCTAGTCCCATGGCTTCTTGTGATAAATCGAAAAAGTGCCGAAGTTCCAATGATTGATGTCCACTTG
AGGTATTCTGGAAGTGATCTTCATGGTGTGACTGCCAAAGTAGTGGACATGCCTCATATCTACACTGACACAC
ATCCACATATTACCAAACAATTCTGGGATCAACAACATTGGCCGAAGCACATCCTTGTCCGTTATACATGGGAG
GAGCAATCGGAGATTGATGTGACTTCTGGATTATATGTTTTGTTCCGATCAGGCTTACGCTATCTTTTATTCTG
TCGATTTACATCTTGCAATCATCGAAGGACAAGTTAGCAAGGTTTGTAAAGAGAAACAGTAGTTGAAAGCAGCA
TTCCTGGCGTGGGAGTGGCAAAAGTGGAATAGAGAGTAGTGGAGGGAGTTGAGGGAAACACTTGCATAATA
TTAAGCTGGACGTTGGGCGTTACCCATTCAAATTTGAAGCTGATATGCTATTATGTCCTTTCAGAGGGTAAAAA
AGNCGTATGCAAGTTGCACATTTCTTT

>trans_s_13265XM_002893398|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

ACCATTTCTTCATCTTCCCTCTTTTCTCTCTTCTCGCTCTTCTCGCCGGCATGAGGGTCCGATCATGGCTACTC
CCCTGCTCCACCGCCGCCGCACTTCCGCAGCCGAACCAATAATATTAATCCCTTCAATCCTCCTCCTTCTTA
ATTTCCGACGCTAGCAGCTTTTCCGACACGTCGGCCAACCTCTCCTCCTCATCCACTCCTAGTTCGACACGAGC
TGTTCCAGTCTCAAAGCAATCTCTCCCTTCAATCCCTTCCCTCCATTCCATCTCTACAGAAACTCCCCATCGCCT
CCGATTCTTCCACGTTACTCTTTCTCAATTCCCCGTCGCTCTTTTAAACTCCCAATCTCCCATCTTGCCGTCCAT
GGTCCTTACCTCTACGTCGCCACTGCTCACGAAATCAACGTCTACGATCGACTCACTTTTTCTCATGTCACTGGA
TTCAACGCTCGAGATTCTTCTCTGGCTCCGTTAAGGGATTGCGCTTCTCCTCCGCCGCGAAATCCTCACTTCTCAC
CAAGACGGAAAAATCCGAGTCTGGAATTTACTTGATAAGAAGAACAATCAATTCAAATTAGTCAACACTCTCC
CTACAGTCAACGACCGTCTTCGCCGATTATACTCCCGAAGAATTACGTCAACGTCCGTCGTCACAAGAACTT
CTCTGGATTCAACACGCCGACGCCGTACCCGACTCGCCGTAAACAACGATTCCATTTACTCTGTTTCTTGGGA
TCGGAGTTTGAAAATCTGGCGAGGCTCCGACCACCGTTGCATCGAGTCGGTGAAAGCGGCTCACGAAGACGC
CATCAACGCGGTAGCT

>trans_s_13266NM_112449|Arabidopsis thaliana MBD11; DNA binding / methyl-CpG binding
(MBD11) mRNA, complete cds

GATTCATTAGTTATCTTATGTTCTTGTGTTTTTCAGCCTCGTTATCCGCATTACAGCTGGTCATCAGGCTTCGGTGGC
TCTGCTTCAGCAGCTTCATTTTTCTTCTCTCATCTATATTTCTTCTTATTGGCATCTTTCACCTCAGCATC
AGCCATGCTTTCATCTTTCCAGCATCTGGGTTGTCAACTTCTTCTCTCCTCCAGAACTTCTGGTTCAGCTTCT
GTTTCTTTAAGATCTTCTTGGACACCGAAGTTCTTTCTCTTGGGTGCTCACTCTCCATTGGTGGAGATGCT
TTAGCCTTTTCACTTATCCTTGCTGACCTCCTTGGCGTCTCACCTGTGCCCAATCAAATTCAGCAGCTGCTGGG
CCACCGGGGTGTGCTTCAGGTACTGATCCAACCTTTCTTTGTTGTTGATCTCCTCCCCTGTTGGGGTTGTGAA
GATGACCTCATGTTTCTAGGGGAGTTACCTTGCTTAGGAAAAAACTTTTTCTTCCAACCAGGAGGAGCAGGT

AGTTCGACGGACACAACCTCCTCATTAACAGTGTCTTTCTCAACTGATGCCGCCATTTCTCACTTGATTGTTGGGT
TTGTGGGTTGGTTTTGCTCAGCTGCTGTTAAACATGAACACAAAAGAAAAGAGAGAAAAGGAAATAGATT
ACGGAGAGAAATTTGGCAATGACGAAGGATTAGGATTGTAATTGTTTTATATTCAATGCCTTTCTCCTTTT
TTTTCTTTTTTTTTCTTTCTCTCTCTCTCCCTCTTTCTTTGTAAGAGAGAAAATCCAGAATCTCCGGTTGA
GCACTTTGGAATA

>trans_s_13267DQ251455|Cucurbita pepo patellin 1 (PATL1) mRNA, complete cds

TCCTCTTCTCGTACCATGGAATTTTTCTTCCAAGCCGGATGCCTTCGATCCCCACCTATCCGTTTTCCGTTCAAA
ACCGATCCTTATCAAGTAGCCACCGACGCTCCCGCTTCCACTTCTTTGCTTCATTCCGGCCGGCACCGATTTC
CCACTCTCTTCGTTTTCATTTCTGCGCTACTTTACCCCTTCATCTGTGCCATAGACCTCTGCAGCCGTTCTTTAA
CGCTCTCCTTCCCTTCCAACCTCCGTTTCACTTCCATTTTATTCTACACCTTAAGTTTGATGGAAGATCGGATCC
CGATGGTTCTACCCCTGTGGACCCCCACCATTTAGCACTCAGGAAGAAAATCCCCGCCGCCTCCTGTTGGA
TCTTTGTGGCGGTGGCTGATTCTCTATTCTAACCGAGAAGGAGACCATTTACCATCAGAACCTGTTCTGAA
GTCTGTACCTCTGTCTACTGCTGAGAACGAAGTGGTTTCGTTACCTCCTCCGGCAGCAGTGGTGAGAAAGAA
GAGCCACTGCAGCCACCACCTCGATCAATAGAACTTGACTCTGTTGCTGTTGAATCTACTAAATGCAATGCAAT
CGAGGAGCAGAAGATTCTCAGACTTCGGTTTCTTCAAGGAAGAAAGTAACCGAGTGGCTGATCTTGACAGA
ATCGGAGAGGAAAGCTCTTCAAGAGCTCAGGCAACTCGTTGAAGAAGGTACGAAGAACCAGGCATTCCAATT
TGAAACCACGCCTCCAGTCCACCACCAGAAAATTCAAACCTAGAGGAAAATCGAGAGAAGGAAGTCCAGGG
GGCAACTCAAACCTCATGTTTGC

>trans_s_13268AL161472|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 2

ATCGCGATTTCTCTCCGTTGAGCAATTGATTACAAATTGAGAGGTGCAATTGATACAAAAATGGTGAATCA
GCGAACAGACAAGTTGCTGAGAAGAACAATATGGTGGCCACTGTCACTGCTTCATACTTTCTTTAAACCGCC
GATTATGGTCCTCAGCCCAATTTCTCGATCCTGTCAAAAAGATTATACTGTCAGCAGAAAGTTGATAAAGGG
CTTCATCTTTGGATCAAATAATCAATCTCAAGAAGGTCAAAGAGAGAAGCTCGGCTCAAATGGCGTCAAGGAC
AATGCATGATAAGTAGACTTCAAGGACTTGTTACGAATTTATGTATATATATCTTGAATCTGCAGTTTTTTGTT
ATACATTTCTAAAGCTTAGGTTGATATCAAGCGTGGGTAAACCTTTTGGAGGAGTAAATAATGCAGTTTGT
TAGACTTTAAGATGTTTAAGGAATTGGTTCTGACCAAACCATTTAGCATATTAACCTCAGAGATTCAAATTAG
TTGAAGCATATTCTGGATCGGTGTAGGGTTCTCCACATCAGTACCCTTCTAAAATAAGGTCAAATCTATCTG
ACATTAGTATGGGATTCACTATTTAGGAAGCAACTCTTATCGTGAGAACAAAGAGGAGGGTATGGTAACTCC
GTGAAAGTGGAATGCTTGCTGAGATGGATTCTCTCCATTTCTGTTGTCTACTAATTCTTGTGTTGGAGTGAGAA
TTCGAACAATANGAGGAAGTGTGATATTTATTTAATTGCCAACCTGATATGCTCATCGACCATAATTTGTTTA
TATGATTTCTGGGAATGTGAAATTTT

>trans_s_13269AY049013|Litchi chinensis profilin mRNA, complete cds

ATTTCTTCCAAGTCTGAGAACCAATCAACTCACAACCAAAACATACAAACGGAAATTACAGACTCTAACTTTTT
GTTCAATTCATTAACCTCGGTTTCAATTGAAAATGTCTTGGCAATCTTACATTGACGATCAGTTGATGTATGAGGT
TGATGGCCAACATCTCAAAGCCGCTGCTATAATCGGTAACGACGGTTCTGTTTGGGCTCAGAGCTCCGGTTTC
CCTCAGTACAAGCCAGAAGAGATTTCTGCCATTATGAAGGATTTTGATGAGCCTGGATCTCTGCCCGGACTG
GGTTGCACCTAGGTGGATCAAAGTACATGGTTATTCAGGGAGAATCTGGAGCTGTTATCCGTGGAAAGAAGG
GCACTTCTGGGATAACTGTAAAGAAAACAACCAAGCACTGATTTTTGGTTTATATGATGAACCCATGACTCCA
GGACAGTGCAACGTGATTGTTGAGAAGTTGGGAGATTACCTGATTGATCAAGGCCTCTAAGTTCTTCTTCTATT
CTATACATAATTGGGATTTTGAAGTGGTGTCTGCTTTATGGCTGTGAAGTGTTCCTTAGAGAAAATAACAG
TGTGAAGAATCAGGATGAAAAAGCAAGAGTGTGGTGATTTTGGTCGATGATTTCTACCCATTCTATGTATTCTT

GGCTTCTTTTTTCCCCCTTCTTTTTGTGTATTATAAATACACGGCTTCAAATATGAATTTATGAAAGCATTACA
CGTATGAGATTGTACTTATATATTGTTATTTTGGTTTTAATATAAGTATTAATAAGTTGTGATGAACAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13270XM_002878675|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L35, mRNA

AGAGCAGGCCAAGTCTGAGGCTCGTAGAGATTGGTAAGAAGAAGAAGAAGAAAGTCGAGACGCTTCGAAAC
TTCAGAAGCTATGGCATCTGCTTCAATGGCGGTGTCCTTTGGTCTTAGGTTCTCCCCACTCTGCTCTCGCCATC
ATTTGCGTCTCTCATACTTCCGTCGGGCTTGCTTCTTCAACAAGGTCAATTCCTGAAGCTTAGTTCCTCCA
CAACATTTCCGGCTTTGGACTCAATTTCTTCAGAAGCCATCTCACATTTCTCCACTTCTCAAATTCATACTCT
TTTACTGTCTTCGCTGCTAAAGGCTACAAAATGAAAACACACAAGGCTTCGGCGAAGCGATTAGAGTAACGG
GTCGGGGGAAAATCGTTGAGGAGAGCTGGAAAGCAGCATTGCTGTACAAGAAGAACGCAAAGAGGAG
ATTACGCCTCTCAAAGTGCACCCAGTGAGCCGAGTGACTATGATAATGTGATTGGTGCTTTGCCGTACTTGA
AGGTGAATAGGCAGGCCAGTAGAAGTGATCTTGGGATCTTGCTGTACTTAACCTTCATTTTGTAAACCAATG
ATTTTCAATTTCCAGAAGTCAAGGGCAAAGTTGATTGCTTAAAAATATTATTGTTCTATTTATCCCTC
AGTTGATAATGGTACCTACAACCTTCTTTCAGTTCCTTCTCTATTGTTGGCTACAAAATGCAGCTTATTTCTC
TGTAATTATGAGTACCTTAGAGGGTCTTTTGCCCATATGGAAAATATCTGGTTGTTGCTTAANACTCAGC
CCCATCTCTAAAACCTCTGTAA

>trans_s_13271NM_001123792|Arabidopsis thaliana sodium symporter-related (AT1G10830)
mRNA, complete cds

AATTACCTCAGATTCCCTTCCGTTTTCCATTCCTCAATTCCTGATTTGCCTTCTCCCTCACTTCCACTCACGGACT
ACCTCACTATTCTGTGTTCTATGGCGGTTGCCTCCGCCACTCCCCCTTTTCCCCTCCATACCTCTCCTCCCCTC
GCCATCGCCGCCCTGATGCAATTCCTTACGACCCTTTCAATTCGGCCCCCAATTGCCTTCTGCAACTTCCCCT
TCCCTCAATTCCTTACACATTTCCGACGTCCTCGATTTGCCGCCGAGGCTTCTATTGGAGACAGGGAGAGTG
GTGGGTCGACCTCTGTCTCCGACGACGAGGGCCTTGTCGGCGAGGACGCTGCTGTTTTGATCTTCCGAGCA
GAAATTAACCTTCGTGGGTTTATTTCACTGTGATTTTGGGGGTTGTTTTGTCGTGTTGAATGTTGTTGGATTG
ATAACTCTGCTGGGGGTGTTGGGAAGGCCTTCTGGATGCTGTTTCTGGAATTCGGATAGTCATGAGGTTGT
GATGTTGCTCCTCACACTCATTTTGGCATTGTCCATAGTGGTTGGCCAGTCTCCGAGATCAGGGCGAGAAGC
TTGTTGGGGAACGAGCTTTTCCGGTTTTGTTGCTGGAGTTTCTCTGCCATTGGCTGTTAGCACTGTGGTGTAT
TTCATTAACCATCGATACGATGGAGTACAGTTATGGCAGCTCAAAGCGTCCCGGACTGCATCAACTGTGT
GGCTCAGCTCGTTTGTCTCCTTCTTCTTCTCTATCCTTCACTTTTAATCTGCTGGAGGTTGCAGCAGTTGATAA
ACCAAAAATGCACCTT

>trans_s_13272EU912423|Glycine max serine hydroxymethyltransferase 5 mRNA, complete cds

GGGGTATTTGGCAGGGTATTGATGGTCCAGAGTCGAGAAGGTTTTGGAATCGGTTTCATATTGCAGCAAATA
AGAACACAGTTCAGGAGACGTGTCTGCCATGGTTCCTGGTGGCATCCGTATGGGGACCCCTGCTCTGACTTC
GAGAGGTTTCTCGAAGCAGATTTTGTGAAAGTTGCTGAATTCCTTGATGAAACTGTGAAGTTAGCCTTGAAG
ATTAAGGGTGGTAGCGAAGGTACTAAGTTGAAGGATTCGTAGCAACCATGCAATCAAATAAAGATTTCAA
GCTGAAATTTCAAAGCTCCGACATCAGGTTGAGGAGTATGCCAAGCAATTTCAAACAATAGGATTTGAGAAAG
AGACAATGAGATACAGAGACTGAAGAACGGATTTTAAAGGTTGCTGGCAATGTTTGGCTGCTGATTCCGGTT
GTTTAATTCTGCTTCTGCAGAAAACTTCGTACAGACCAAAGTTGCTGAGTGAGATCGTCTCTAGCAAATGTCCT
TTGAAAATGATGGCAAACCAACACAGAAATTTAAACGTTTCTTCTAAATAAATGTTGTAAGGGCAGATTCTT
TGGACTTTCAATTATAAATGTCGACATTATATTCTATAATCTTTGCCAAATTTGATTTATAGATTATTAGCTTTG
AATCGTAATGTTATATCTTAATGTAAACAGAATGTTTCCACTTCATAAGTACTTTGTGTAATACCACCTTACAAT

GCACGTGTATCCTTCCTCTTAATATTTTCTTATAATATTATTTCACTTACTTGATTGAAAAAAAAAAAAAACGA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13273NM_001056358|Oryza sativa Japonica Group Os03g0295400 (Os03g0295400)
mRNA, complete cds

ATATTATACTTGCTAGACTTGGCCCTGGTCAGGAAATTGAGCTTGAAGCTCATGCTGTTAAAGGTATGGGTAA
AACACACGCTAAGTGGTCCCCTGTGGCCACTGCTTGGTACAGGATGCTTCCTGAGGTTCTACTCCTGGAAGAA
ATAGAGGATGAGCTAGCTGAAGAACTAAAAAGGAAATGTCCTGTTAATGTATTTGACATTGAAGACATAGCT
GGTAAGAAAAGGGCAACCGTAGCACGCCCACGAGCTTGACATTGTGTAGAGAATGCATAAGAGGAGATGC
ATGGGAGAAACGTGTCGCATTGCGTCGTGTGAAAGATCATTTTCAATTTTAAGATTGAATCAACAGGAGCTTTA
CCTCCCAATGTTCTCTTCACTGAAGCTGTAAAGATTTTGAAGATAAGTGCGAACGTTTAATTGCCGAGCTGTC
TTAATTCCTCTTAATCCTTAAGTCACAGACTATATTATTTACTATATTTATAGGTACCAATTTTGTAAACATAT
GAATGGATTATTAAGTTTTTGTGTTGAATTGACAGTGGAATAGCTTCTTACCAATGGATTACCAAGGTATCT
CAAACAATTCATGTGTGTTTATTGTATAGTATTTGTAGATGACAATCTATTTAATTGAAATTGAAAAAAAAAA
ATTCTAACCTAAATTAATTTAAGTACAGATATAGGAAGAGAACTTAAGACACAATTTGTCATTTGAACAATTT
TTGTTTTCTTTGGAGCTTAACGTTGAAATTGACTCTGGTGAAATGAGTATATGTATCTCTCAAGACTCTTTTAA
GGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13274NM_119855|Arabidopsis thaliana LEJ2 (LOSS OF THE TIMING OF ET AND JA
BIOSYNTHESIS 2) (LEJ2) mRNA, complete cds

TCACTGTTTCGTTATCTTCTACTGCAAAATCCCAGTCTCCTCGTTTGAGTTTCACGAACCTTGGCGAGTGTGAAG
GGGTTTTAATTTGTTTCGTCAGGTTCTTCCATGGAGTCGATTGTTTGTAGTTTGAGTTCTTTATCGTTGGCTCA
TTTCAGGGCGAAGAGTTTTTCGGTTCAGGAGATGTTATTTGGTCCTTGCCGGAGACTTTCATTGCCGATACTTC
ATGCATCGGTGGCTCAGAGCTTTCCCGAGCTTCGAAAATCTACTTCTCTTGCTGCTAGTGGTACCTTGATGGCC
AATCCGTCCTCGTCTGGAAGTGGTGTATACACAGTTGGTGACTTTATGACTAGGAAAGAGGAGTTGCATGTTG
TGAAGCCCACAACCAAGTGTGATGAAGCATTAGAAATCTGGTGGAGAAAAGGATCACAGGATTTCCAGTTAT
TGATGACAATTGGAAATTGGTTGGTGTAGTTTCTGACTATGACTTGTTAGCACTAGATTCCATCTCAGGTGGTG
GAAGGACAGATACAAGCATGTTTCTGAAGTTGACAGCTCGTGGAAGTATGCAATGACCTCCTTTTTCTGTA
TTTATTTGTAGTTTTTTTATTTTATACCTTTTCCATCAGTGTTTCTGATGACCTTCTTTGTGCAATAATTTATCA
TGAGCGTTAAATGAAATAAAAACTTAATACTTTATAAAAAGAAATTACATAAAGTAGAAGTTACTGTATTAAT
CGCTCAAGCCTTTCAATTTTACAAGACCATACGCAGATCAGGTTAGCAAGAAGCATAAATTTAAGTTTACTGG
GCTAATATTTTATCTTCATGCA

>trans_s_13275AY106292|Zea mays PCO061640 mRNA sequence

TCCTTTACACTGCATCAGTTGCATAACACAAGAGAGGAAGACAATGAAATTCCACGCTCTCCGAGATCGAAAT
CAACCTAAAATTTGAATCAGACCATTCTTCTTCCATCTGATTTTTTCCAATTCGCATCATAATCGTTGTGATT
GGTCTCACCATGTCAGCTTTATCTAGAGGTCTCATTTCTCGTCTTCGTCTTCTCTCGATCAATCCGGCGCTTCT
CATTCAGTTACTTCTTCTTATTCTTCTTCTCGAGGACAAATGCGTCTTGTTACTACTTCTTCCGTGCTTTCAG
TACTCAGGATTTGACTCAGGCTAGCGATGGGTCTTTGCCAGCTTCTCGATTATTGAAGCTAAACCCGGTACTA
TGAGCAGTAACTCTAGGCGGACGGGTGTTATTGCCGTCAAGTGTGGAATGTCGGCGTTGTGGGATAAATGGG
GAGCTAGGATACCCATCACTGTGCTCCGGGTGATGATAATATTGTGTCTCAGGTCAAGACTATTGAGAAAGA
AGGTATCACAGCTTTACAGATTGGCTGTGGACAGAAGAAGGAAAAACATTTGAGTAAACCTGAATTAGGCCA
TTTTAGGGCTCAAGGTGTTCCATTGAAAAGGAACTGAAGGAGTTCCAAGTGTCACAAGATGCACTTCTTCCA
GTTGGTACAGAAATTGGCGCCCGCCATTTTGTTCCTGGACAGTATGTTGATGTGACAGGAATAAGTAGAAGG

GAAAGGTTTT CAGGGAGTGATGAAAAGGCATGGTTTCAAAGGAATGCCAGCATCTCACGGAGCATCATTATC
TCATANGGAGCGGTGGTTCTACGGGTC

>trans_s_13276NM_118522|Arabidopsis thaliana nucleoside diphosphate kinase 4 (NDK4)
(AT4G23900) mRNA, complete cds

ACTTCAGCTCTCTCGACTCAACTCAACGCAACAACCAACTCTTCTTCTCTTCCCCTACCAAATTTCCCTCCACTGT
TCTTCGATATGAGTTCCAAGATCTGCAGATCTATTTCCGGAGCCGCCAGGTCCATCCTCACTGCTTCCCGCTCCT
CTCGCGCTTATTCCACTGGAGGCAGAGCCGCGGCTTCCGCAGCAACAGTATCGCTAAGAGAAAGGTTGCCTTC
TCTTGCTTCAATCTATAAGAATGCTGGTTCTGGATACGCATCTAGAGAATGGATTT CAGGACTGCTTGCGCTTC
CTGCTGGAGTTTACATGCTTCAGGAGCAGGAAGCACATGCCGCAGAGTTTGAGCGCACGTTTATAGCCATCAA
GCCAGATGGTGTACAGAGAGGGGCTGATATCAGAAATCATATCCCGTTTCGAGAGGAAAGGGTTTAAACTCGT
AGGCATTAAAGTTGTTGTCCCATCAAAGGAATTTGCTCAGAAGCATTATCACGATCTGAAGGAAAGACCCTTC
TTTAATGGCCTCTGCGAATTTCTTAGCTCTGGCCCCGTCATTGCAATGGTTTGGAAGGCGAGGGAGTGATCA
GATATGGACGAAAACCTATTGGAGCAACAGATCCACAGAAATCTGAGCCCGGTACCATTTCGAGGAGATCTAG
CTGTTGTAGTTGGCAGGAACATCATCCATGGAAGCGATGGGCCAGAGACTGCAAAAGACGAGATCAACTTGT
GGTTCAAGCCAGAAGAATTGGTTAGCTACACAAGCAATGCAGAGAAATGGATCTACGGAGAAAACTGATGAG
TTTTCTATCCCTTTTTTCTTTTTTTCTTT

>trans_s_13277BT024592|Arabidopsis thaliana At2g27290 mRNA, complete cds

TTGATTTTGTGGGATCCTTGTTTTCTCTCTAAACCCAACTCTCAATT CAGAGCCTATGTCTTGAGATCCCGACC
TTTGATTTTCTGATAATGGCAACTGCTTCTTCTCTAATTGCCTTTTCATCTTTTCCAACCTTTCTTTACTCACCC
AAATTT CAGATTTCAATTTCAATTTCTAACCCACCTCTCAAAATCAACTCCAAACCTTT CAGGGTCCAAGCCCTT
AAACAGAAAACCGCGCAAAATCGATCGCCATCTCCATCTTCTTCTTCTGCAGATGAAGTTACCAAGAAGTA
CGGACTTGAAGCTGGTCTTTGGAAGATATTTAGCTCTAAGGAGGAGGGTGAAGGGACAAACAAATCAAAGG
GTGATCAAGCAAAAGAGTTGCTAGCGAAATATGGGGGTGCATATTTAGCCACCTCCATAACTCTATCCTTGAT
CTCTTCTCTCTATGTTATGCGCTCATCAGTGCCGGTGTGCAGCTTCAAGCTCTTCTGCAGAAGGTAGGAATTT
CAACTGATGAGACAGGAGGGAAAGTTGGAACATTTGCTTTGGCATATGCAGCACATAAAGCTGCTTCTCCGAT
AAGGTTTCCTCCAACAGTGGCTCTCACTCCAATTGTTGCAAGTTGGATTGGGAAGAAAGTTGAGAAAGAGAAT
TAGTATAATGTCTTACTTTGAGACTACAAAGTTATTCGTTAGAGTTCTTATCTAAAATTACTTGATAGTGTATAT
TGGGTTTAATTTTAATCCATGTAGATTGTATACTAATGAGTTATAATGTACACGTCCTTTTGAAGAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13278DQ056438|Lycopersicon esculentum cytoplasmic ribosomal protein S13 (ACI39)
mRNA, complete cds

TGGATAGCTGGCCGTCGTAGTAGAGCAACTCTCATCGAACTCCGGAAGCGGAAGCAGGGCCAAGGGAGACA
ACCATGGGTCGTATGCATAGTCGTGGTAAGGGTATTTCCGCCTCTGCATTGCCCTGTGGAGAAGCGCCACCAA
GTTGGCTCAAGATCTTCTACGGATGTTGAAGATAATATCTGCAAATTTGCGAAGAAGGGCTTAACCCCTTCT
CAAATTTGGTGTGATTCTTCGTGATTCTACGGGATTGCCAGGTCAAAAGTGTTACCGGAAACAAAATATTGC
GTATTCTTAAGGCCCATGGACTTGACCTGAGATTCCAGAGGATCTCTATCACTTAATCAAGAAAGCAGTTTCC
ATCCGTAAGCATTTGGAGAGGAACAGGAAGGACAAAGACTCCAAGTTCAGATTGATTCTCGTGGAGAGCAGA
ATTCACAGACTTGCTCGTTACTATAAGAAAACCAAGAAGCTTCCACCAGTTTGAAATACGAGTCAACGACTG
CCAGCACCTGGTTGCTTAATTTTGATTTT GAGTGATTTGGTGGCTATACGATTCAATCTGTGATCTGCTTCAG
TCATTGTGAGGTCAGGTGGATCAGTGAGAGTTGCAACTTGTTTCTATTTATGGCATCAGTTTGTATTCAGTT
TTTATTATCGGAATCTGTAGACTTATTTGAACAGATTTAAAAGCAAATCAGAAAGCCTTAATGGTTCTGTGTTTC

CTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAGTTCA
TAATCGAGGAAGATGAACTCACCTACTCTTA

>trans_s_13279AY107267|Zea mays PCO073795 mRNA sequence

TATATAAACAGTGTCCATGAAGTCAATAAGTGCTCAAATATAAAGCCGACTTTCGATGAACTTGAAAAGTT
TCGAAAGCCTGGAGAAAATGGAGATGAATGGTGTTCATTGTTTCATCCAGACCCATGCGAATCGGACCAGCAG
CTAACAGAACAACACTTCTGGCAGTCAGCAGTTTTCGAAAACCTTCATATCAGAATCCTCAAGGGGCTCAGAATGA
GAATGATCCAAACAATACGACTATATTTGTGGGCAATTTGGATGCTAACGTCACAGACGATCACTTGAGACAA
GTATTTGGTCAATATGGGGAATTGGTGCATGTAAAGATACCTGTAGGCAAACGATGTGGTTTTGTTCAATTTT
CTGACAGAAACTGTGCTGAGGAAGCGTTACGTGCGTTGAATGGAACGCAAATTGGTGGACAGAACATTAGAC
TTTCATGGGGACGTAGTCCTTCAAATAAACAGGCGGACCCTAACCAATGGAATGGAGGTGGCTATTACGGGT
ATGGACAAGGATACGAAAACCTATAGCTATGCTCCAGCTCCTCATGACCCTAATATGTACTACAGTGGCTATGG
TGGGTATGGAAATTACAAGCAGCCTCCTCCACAACAACCGTAGCAGCAGCAGCAAGGAGGATACATGTAGAT
TCAAAGTTTTGTTTACTCTGCCCTGCCGCTCCCGACCGAATCTCCCGGGTTATGATGGTTAAAGATTTTGGC
AAAGTTATTTCAACCTCCCATCACATCCATTCTGAAGAACTCTTTTTCTATTTTATGTTCTACCTAAACTCTTCG
ATGGGATGAAACATCCTTTTTCTCTTAATTA

>trans_s_13280AB035890|Cucumis sativus CUPG1 mRNA for polygalacturonase, complete cds

GATCAGCATTGGAAGTTTAGGGAAAGACAACCTCCACTGGCATTGTGACAAAGGTGGTGTAGACACAGCCTT
CCTCAGAGAGACAACAAATGGTGTAGAACTCAAACCTTGGCAGGGAGGTTCTGGATACGTCCGTTCCGTACG
CTTCGAAAATGTGCGAATGGAAGATGTTGAGAACCCATTATCATCGATCAGTTTTACTGTGACTCTCCTACTA
CTTGTAACCTCAGACATCAGCCGTGAAAATAAGCCAAATCATGTACCGAAACATAAGTGGAAACCACAACGA
GCAAGAATGCAATGAAATTCGCCTGTAGTGACAGTGTCCATGCAGCAACATAATTCTAAGCAATGTCAACTT
GGAGAAAACGGATGGAACAGTGGAGACCTATTGCCACGCTGCTCAAGGCTTTGGATATGGCATTGTGCACCC
ATCGGCAGACTGCTTAACTTCCAGCGACAATAACTTTGCAGCTTCAGATCAGACGCAAGTTCTGGAGCTGGAG
ACAGTGCAACTCCCTACTGAACAGCACATTGTTCTACTGAGCTCTGAGCTTATTGTCCTGTGTATCTAAACTA
AACTACTAAAGGGATCATATTTTGGTAGAGCTTGGTTTTAGGTGATCACCAACTCAGGAAATATTTGTAGCAT
ATATTTACATAGCATACACAATTATTCCTACCCTTTAACGTCTAAATAGAAATATAGACTATGAAGTAAATGAT
TGTAATATTGCTAGAAGAAAATATACATATTTTGTAGTTTGTAGTAAAGTCTTTTAAATCAAAGTTTCATATGG
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13281HM130680|Brassica napus glutathione peroxidase 1 (GPX1) mRNA, complete cds

GAAATGATCTAGACAATACCACGTGTAACCACATCTTCCACATTCAAACATTGTTTTGTCATGAACTTAGGA
AAATGTGCCATTACATAGTTAGTCGCAATCCGTTATTTCTTCTTCTTCATCTCCATAAACGCTTTGTAAATCAT
TCACACACCTACTTCCCATCCTCCAATCCCAATCACACCTCATTACAGAGCTTCCATGTCTTTCTCCGCTACTT
TCCCTGCTCCAATCAATGTCTGCTCGAAAACCTCAACAGGTTTCTGCTATTCTTTGCTTCATGGCCTTCCATGG
CCGCTAACTTGATTCTTCACTCAAATCCTCGCTTGCAGCTTCCAAATCTACTTTTCTGCGCCATAATTTGACTAT
GAAGTCCTCAATTTCTCATGGGGTGTTCGAAAGCTCGATTTCTAGTGTTTCTGCTAGAGCTGCTACGGAGA
AGAGTATTCACGATTTCACTGTTAAGGATATTGATGGGAAAGATGTTTCACTGAACAAGTTCAAAGGGAAGGT
TCTCCTGATAGTAAACGTTGCATCTAGATGTGGCTTGACTACTGCAAACTACTCAGAGCTGTCACACTTGTATG
AGAAGTACAAAGCTCAAGGGCTGGAGATTTTGGCTTTTCTTGCAACCAATTTGGGGGCCAAGAACCTGGGTC
CAATCCAGAAATCAAGCAGTTTGCCTGCTCAAGGTTCAAGGCCGAGTTCCCAATTTTGTACAAGGTTGATGTC
AATGGTCCAAATACTGCTCCAGTATATCAGTTTCTCAAATCAAGTGCTGGAGGGTTTTTAGGTGATCTTATCAA
ATGGAACCTCGAGAAATT

>trans_s_13282XM_002881558|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata KH domain-containing protein, mRNA

CTTGTTTCTGCAAAATCTCACTACGACAGACCCCTGAGTGAGCGAGCAACCCCCCTTCTTCTTTCTTTCTT
TTCCCTTACCTTTATTGGTGGTTCTGTCCTCTTTTTCTTTCTTCCGCATCAACAACACACCTGAAAGTTCTACCTTC
CTATTCCTATTCTTTGTTGGTTGAGATTCCGAATAATTAAGAAAGAAAGAAAGCAAGCAAGTAATGTCAG
GTTTGTATAATCCCAACTTCGCTCCTGCAAGAGCTGCTTCTCCTCAGATTAGAAGCAGCGGTGATACTGACAGC
CAGTACCTGTCGGAGCTGTTGGCCGAGCATCAGAACTCGGACCCTTCATGCAAATCCTTCCTATTTGTAGCCG
ACTTTTAAATCAAGAGATTTTGCGGGTTTCCGGAATGATGTCCAACCAAGGTTTTAGTGAATTTGAGAGATTAC
GACATAGAAGCCCCAGTCCAATGGCTTCTTCTAACCTTGTCAAATATTTCTGGCTCAGGTTTTGGCAGCTGG
AATGGACTTCCTCAGGAGCCAAGGTTAAGTGGAATCCTGGAATGACAATGGACTGGCAAGGTGCTCCTGCA
AGCCCTAGTTCATTTACTGTAAAGAGGATTTTGC GTTTGGAAATTCCAGTGACACATATCCGAATTTCAATTT
TGTTGGACGGCTTCTTGGACCGAGAGGCAATTCTCTGAAGCGGGTAGAAGCTACTACAGGATGTCGTGTGTA
TATCAGAGGAAAGGGGTCAATTAAGATCCAGAGAAAGAAGAGAAACTCCGAGGAAGACTTGTTTATGAAC
ATCTGAACGAACCACTGCATGTCCT

>trans_s_13283X95752|N.tabacum mRNA for c subunit of V-type ATPase (980 bp)

[illegible]

>trans_s_13284NM_115732|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L11 (RPL11B) (AT3G58700)
mRNA, complete cds

AGTGACATCGGAGAAAAACCTTAAAACCTGCTCCTCCACTTCGTCTGCTGTGACCGTCCCTCCCTCTGCCTC
GCCTGCCTCATCCGACAATGGCTTCAGAGAAGAAGCTCTCGAACCCCATGCGAGATATTAAAGTTCAGAAGCT
GGTTCTTAACATCTCCGTCGGTGAAAGTGGCGATCGTCTCACCAGAGCCGCCAAGGTGCTTGAACAACCTCAGT
GGCCAATCCCCGGTCTTCCCCAAAGCCGTTATACTGTTGCGTCTTTTGGGATCAGGCGTAACGAGAAGATCG
CCTGCTACGTCACTGTGAGGGGCGAAAAGGCAATGCAACTTCTTGAAAGTGGTTTGAAGGTTAAGGAATACG
AACTCTTGCGCAGGAACCTTCAGTGATACAGGCTGCTTTGGTTTTGGTATTACAGGAGCATATTGATCTTGAATC
AAGTATGACCCTTCAACTGGTATATATGGTATGGACTTCTATGTTGTTCTAGAACGTCCAGGCTATCGTGTTGG
TCGTCGACGTCGATGCAAGTCAAGTGTTGGAATTCAACATAGGGTCACCAAAGAGGATGCAATGAAGTGTT
TCAAGTTAAGTATGAAGGTGTCATCCTTAATAAGTCTCAGAATATTACAGGCTAGATTAAATCCCTCAATTTTGG
TGGCCTCTACAGGTTTTTGTAGCCTCCTATTTTTGTATCAGAATTTTATTTTAAAGGTTTGAAGACATTTATTGA
TTTTCTGTATTTTATCTTCGAATGGAAGAAAAAGGATTCCTCCTAATGAGAAAATTTGTTATTTTGTGACTC
GGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

GTGCGAATCCGAGACGGAATAGCCCTAGCCTGCTCTCTAAATTTTCATCTTCTTCTTCTTCTTCTCGTCAATCCA
TTCAATCCAATCCCACCGATTCTCAAGAACTGATGGGGAAGAACAAAATCACTGACCTCAAAAACCCCCCT
GACGAAATCCCCACTGTTGCTACTCCCTTCAGCGTTTTGATACACTCTTCGGCAGCGCCGGTGTGAAAACCC
CTCCGTTTCTATCTTCTCCAGTGACAACCTTTTCGTAGGAAAGATTGAGATTCTATTTCTCTCCACTTGCTGAA
AACAGTAGGACGAAGGGCAAGGAGAAAAGGGTGGTATTGATTGGACTCTACTGAAGGTGTTAAACTTCG
TCGGAGATTAAAAATCTAAGAAGAAGGAGAAGGAGAAGTCTCGGGACCGCGAATTGGATAATGTAGATGA
TGATGGAGAAAGGGGTTTTCGAATCGCAAGGGGGATTGAAGGATAATAGGAAGAAAGGAACGGCTTTGGGCT
CTGAAACTTCAGAAAAGAGTCGTGGTTTTGACAGGAGTAACTCGGTGAGAATGTGAAATTGATGAAAGAGA
GGAAGAAGAGGAAGAGAGATGAACTTGAGAGGGAGTATGAAGCCAAAAGTATGGCGTATCAGATGTAGCT
GAAGATGAAGTGGAAGTTTCAGGGGGGAATGTTGTTGGGAAGAAGAGGAAAGCATTGGATGATCCTTCAGA
GATGTTGGTTACAAAGGAAGGATTTGATGATGAAAGTAAGCTTTTGAGAACTGTTTTTGTTGGGAAGTTGCCA
TTGAAAGTGAAGAAAAAAGCTTTAGCCAAGGAGTTT

TTGGAGGTATCGTAATGGTGGTGGGGCTATACTCAGTGTCTATGGGGAAAAATACAAAGATTACAAAGAAAAGG
AAGCAATAATAGAAGAGACCACCATAGTTGAACCACTGAAGCTTTTAATAAGTGTAGACAAATTCGAGAAAA
ATAAGAAGAAGAAATTAGCAACAGTAGTTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAACGACGACATCGAC
AGCATTAAACGACATCGAAATGCAAAGGAACGACACAACATCAAATGTCGACGACAATAATAATAATGTTGC
AAAATTGCCTCGTCTTTCTCCACTACCCATTCTTGTTGTTACAGCTATGGATGAAGCAACACCAAAAAGATTCTGA
TTAAATTTTTTATTA AAAAAGATTAAAAAATTACAAATCTTTTGAAAAGAAAGAAAGAAAAAAAAAAGAGAGAA
ATTA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTTGGAAATGGCCTTTGAAGAGTGGGAGGGAAAGGATGTTTTTTTTTAAA
AAAAACTTTTTCTTCATCTAATCCTTTATCTTTTTTTTTTTTTTGCCCTTAACTTTTCTTTTTTCTGTTGGACA
AATATTAGGGTTTTAGATTTTGATTACAATTATGTGAATTCAATTAACCATATAGTCTGTAAATCTCAGACTGTT
TTGTTATTCTATATAATAGTTTTAAAGATTTTGAGTAAATACTTCTCATTAGTTCTTTATTTTATTTTTTTTAAATC
TTTATATGTTTGATATGTAACCAACTTGAATTCGCGGAGTTGAAATGAAGACCTTCAATTGGTTAGATCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

AATAATCCCCCTTCGGCTCTTCCGCTCTCACACTCTACGATCTTTGGAAAAGCCAGGTCTTAACAATTTCTCTCCA
 GCTAACTTAGTTTTCTTTGCAGACTTTGTGTAATCGCAACCCCAACTCTCAACTTCAGTTCTTAGCAGGCTAGC
 AGGAAGAAATGGGAGAAACAAGAGACAACGAATATGAGGAAGAGCTCCTCGACTACGAGGAAGAAGAAGA
 GAAGGCCCCCGATTCCGTTGGAGCTAAAGTCAACGGTGAAGCTGGAAAAGAAGGGTTATGTCGGAATTCATAG
 TTCGGGATTCAGAGACTTTCTATTGAAGCCAGAGCTTCTCCGTGCGATTGTAGACTCTGGATTTGAGCATCCAT
 CTGAAGTACAACATGAATGTATTCCCCAAGCTATCCTCGGCATGGATGTTATTTGTCAAGCTAAATCTGGTATG
 GGTAAAACTGCTGTCTTTGTTCTGTCAACGCTGCAGCAGATTGACCCTGTGGCTGGTCAAGTATCTGCCCTAGT
 TCTGTGCCATACCAGGGAGCTTGCATACCAGATCTGTCATGAGTTCGAAAGGTTTCAGCACTTATCTTCCGGATC
 TGAAGGTTGCTGTCTTCTATGGTGGAGTGAATATTAAAATTCACAAAGATCTTCTGAAAAATGAATGTCCTCAT
 ATTGTTGTTGGAACACCCGGAAGGATATTGGCACTGTCGAGAGATAAAGACCTATCCCTGAAGAATGTCCGAC
 ATTTTATCTTGGATGAGTGTGACAAGATGCTTGAGTCACTTGATATGCGGAGGGGATGTACAAGAGATCTTCAA
 GATGACTCCTCACGACAAACAATGGCG

>trans_s_13288NM_001064264|Oryza sativa Japonica Group Os06g0508700 (Os06g0508700)
mRNA, complete cds

AAAAAGAAAGAAGTGCCTGCTGACCAGTTTAACCCTACTTTCTCAAGTTCCTACTGAGACTTACAACGCCGTC
GTTGTTTCCAACCTCCCACTCCTCCAAATTTCTCCATTTTCTTCCCTTCATCGTCTCCATTCTCTCCGCTATAACCT
ACCTCAACCACCAGTAATTCGTTCTTCTTCGGAGTAGCCTTTGATTCTCCGGCGGATTAAGATTGATAGATATG
GGCGACGATTCAAGCAAGGCCGCCGAACCAAGGCTACAAAGCTTCCGATTCCAGGAAAGAGGAATATTCTC
ATCACTAGCGCTCTTCATACGTCAATAACGTTTCTCACCTCGGAAATATCATTGGCTGTGTGTTGAGTGCCGA
TGTTTTTGCTAGATACTGTCGTCTTAGAGGTTATAACGCTATTTACATATGCGGAACCGATGAGTATGGAACG
GCGACGGAGACAAAAGCAATGGAAGAGAAATGCTCTCTAAAGATATTTGTGACAAGTATCACGCAAATCAC
AAAGAAGTTTATAATTGGTTTGGTATTAGTTTTGATGAGTTTGGGCGCACATCATCACCACAGCAAACCTGAAG
TTTGTCAAGCAATATTTGGCAAACCTATTGGAGAACAATTGGCTTTCTGAGAACACGATGCAACAGCTGTACTG
TGATACTTGTGAGAGATTTTAGCCGATCGGCTCGTTGAAGGCATATGTCCTACCCAGGTTGTGAGTATGAC
TCCCCACGTGGTGATCAGTGTGAAAAGTGCGGGAACTTCTCAATCAACTGGAATTGCAAGACCCTAGGTGCA
AGGTCTGTCAAAACACCCCCCGTATCC

>trans_s_13289X60391|P.vulgaris mRNA for prolin-rich protein (PvPRP1)

CACCACCTGTATCCCCACCACCATCACCTGTATACGAAGGCCCATGCCACCAATCTATGGAGTTTCGTACGCT
TCCCCTCCACCTCCACCCTTCTATTGATTCTTTGAGAAATTTCCACCTCTAACCTTACCTCAACTCAACCATAG
AAGAAGGAGAAATTTACACCAAATGCCCTCTTTTTATCTTCTTCAATGTACTAAAAGAATATCCCAATCTCCCTC
CATTATTATTTTTCTCCTTGAGCAATGCTCATCGCTCATTGAGGAAGAATAATCAAAAAGACTTTTAAAGGATT
ATATTTATTTCTGCAAGTTAAAAGCGGCCGTGGCCATGTCCATCATGTTCTTCTCTTACAAAAACCTCAATTA
CTTTGTTTAAAGATTTGGAAAAAAGCAAAAAAAGAAAGGCATTTTATTATTACACAGAGTGTAAGG
CGAGAGGGAAAGTCTCTTCTTATTGTTGATTGTTATGGATATTGAATTTGTGAAATAAATGGCAGAGAA
GAGTAGAAGAAGTGCAGAGAATGTTTATGTTTCAGCAAAAAAGAAAAAATTGTATGTATAGGGATGA
ATTTGAAGAACTATAATTCAGAGCAACAATGGGAAAGCAGTAGTTTCTGCTGCTGCTGCTTTCTGGTTTGTGG
TCTTTTTATTTTTTGTTTTTTTCTTCTTTATTATACTTTGTTTTCAATTAATAGTATAATCATGAACATTTTAC
TTGTATCAGATTGTCTGAATTCAGATTATATTATCTTTAATGTTCTTCACTGTTTTTTCTCAAAAAAAGAAAA
AAAAAAGAAAAA

>trans_s_13290NM_001071339|Oryza sativa Japonica Group Os10g0466300 (Os10g0466300)
mRNA, complete cds

ATCGATGACATTGTTCCAATTAAGAACTGGAAAGATAGTCAAGCCCAGGCAATCTGCTAGTATCCCTGGAATGC
TTGGAATGTTCCAAATGAATGGGATGTTTTGGTGCTATCCAATTTTGCATTAGAACAAACAGCTGCATACGGCT
AGACAGGAGCTTAGTCATGCCTTGATCAGCACGATGCTGCATGTCGTGTGATTGCAAGACTTAAAAAGGAAC
GGGATGAGGCTAGGTCTTGCTTGCTCAGGCAGAGAGGCAGATGCCTTTGTCGTCAACTTCGTTTTCGTCCAA
TGCTGGTGCTGTCAATGTTAATGGGAAAAGAGTTAATGAGGATGAGGAATTGGGTCCTGATGGGAAGAAAAT
ACGTCCAGGAATATCAGACACTGTTATCTCTGAGCTCACAGAATGTAATGCTGCTCTATCACAACAAAGGAAG
AGGCGGCAGATACCTGCCACTTTGGTTCCTGTTGAGGCTCTAGAAAATTACACCCAGATTTCTAGTCATCCACT
TCATAAAACAAGCAAACCAGGCATTCTGTCTCTTGACATCCATCATGAGAAGGATGTCATTGCGACTGGAGGG
CTGGACACAAATGCTGTTCTTTTTGGTCGATCATCTGGGGAGATTTTATCTACGAGCAGAGGCCACTCAAAGA
AGGTAACAAGTGTCAAATTTGTGGGCCGAGATGATTTATTCTTGAAGGATCAGCTGATAAGACTGTCCGTGT
TTGGCAACAATCTGATGATGGGAACACAATTGTAGGCACATTTTGAAGGATCATAAGCTGAGGTCCCAGCT
GTTACCGTCCATGCTACCCATGACTTCTTG

>trans_s_13291BT008710|Arabidopsis thaliana At5g04840 gene, complete cds

AAGTTTTAGCATATTTTTATTATTCCTCCTCCCGTTGAGGGCCGAATTTGAAGCCAATGGCGTCCTCATCTTCA
TTCTGAACACACTACAGCAGCAAAAAAGGCAAGGAAGATGTTTCCTTTTACATTGTCTTTTTCGTTTCCAACC
AAAAAATTACACTTATAAAAGCTAAGAACGAGGCTGATGCTGATGGGAAACTTGTGATATAGTCCAGTAACTC
ACCATGTCAACCAGGCAAACCTCACCTTCCTCCTCGTCTCGCTGCCCGACTCAAAGAAAACAATTTCTGGTCC
AATTAATGGTTCTATTGCACCAACCCACCTGTTAATGAATTCTCTCACGACAATTCTTCATTAAGTTCTGTGTT
AGAGGATGAGCCTGTATGGCTCGGTGAATTATTAAGCGACTGTGAATCAAATTCATTGGACAACCGCTTCGA
CGGTCAGCTAGCGACTCTGTCACCCTTCTAGATGGTCTTGACAGATTCACTGAGGAGTATGTGTATTGCCAAAG
ATGTGGAGAATTCAGTTGGCAATGAAACTTGTGAACAATGGGATCCATCTTGCACTTATGGACCTAACTCACC
CAGGAGAAAATGCAGTTCAGATTTTTCAAACCACAGTATGGTTTCAGCATTATCAGAATTTGTTTCATCTTCACC
ATGCCGCTCCAGTGACGCGAGATGCCTGTTCTTTGCCGAGAACTCTTCTCAAATTTAAATGGAAACATTAAT
GAATCAGTTAGGGATTTCAACACAAATGAAAATGCAGCAAAACGGCACAATGGGCAGCGGTCAAGGGTTCGA
AAGCTTCAGTACATTGCTGAACTGG

>trans_s_13292XM_002889989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

CTCCACTGGCAAATTATGAGCCATATGAAGCTGCCAAGTATGTGGCTGAAGGTCACAGACCGATCTTCCGTGC
GAAAGGATACCTTCCTGTTCTGAGAGAGTTGACAGAAGAATGTTGGGCATCCGATATGAACAAGAGACCTTCT
TTCCTGGAAATTCTCAAAGACTTGAAAAGATCAAGGAAAGTCTACCAACTGATCATCACTGGAATTTGTTTAA
TGCATAATGTTATAATTTACACGTGAATGCAGTATAGTATATGCCGTTCCAGACATTCAACTTTCTTCTGCTCG
ATTATATGCCCCGGAAGTTGCAAGTGTTCTCCACTAGCATAGGTTGTTTAAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGAAGGATTTTACGGCTTGCTTTCACTCTGCTCAAATGCTGATTTTGATTGAAAATTCTCATCTTTTTT
TCTCCACTAGCTCTCTCTTGATCATCGTCCCAAACCGCAGTCCCATTTTCCATGGAGGAATCTCCTTCAGAATG
TGGCCTTCTGAATGTCTCTTATAGGATTTAATTGTTTCGTCTATAGGATTGAATTGTTTCTTCTTATATTTCA
ATTGTAATTTAGTTCTGGTAACGAAGAAAACACAAGCATTATATGTAGTTCTGCTTCCATGACTTCTCTGACTCT
TTTCTTCTGGTGAAAGAATTTATTAGTTTTTTGTTTTTTGTTTTTTAATTTGTTTAAATAATAATAATA
AACAACCTTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13293NM_100564|Arabidopsis thaliana transporter-related (AT1G06890) mRNA,
complete cds

GTTCCATTTCTCTTTTGTCACTAAGCTGTTAGCGTTCTTCTTCTCCATTAAAGACCACGCAGACTGTTCCAATCAAT
CTCCTTTGCATAATATTATGTTACAGATACTCTCCTAGCGCACCGCACAAACCTACGCCTCTCTCTTCGCGAATC
CAGATCGTGGTAGGACTCGACACTGAGCAGCCTGAAAATGAGTGACGGCCAGAAGTTCCAGCTCGGGACTAT
CGGGGCATTGAGCTTGTCGGTGGTTTCGTCTGTCTCGATTGTCATATGCAACAAGGCACTTATTAGTACACTCG
GTTTCACATTCGCCACTACATTGACAAGCTGGCATCTGCTTGTTACATTTTGTTCCCTTCATGTGGCACTATTGA
TGAAACTGTTTGAACATAAGCCTTTTGATGCGAGAGCTGTAATGGGATTTGGAATACTAAATGGAATCTCAAT
TGGGCTTCTAAATCTTAGCTTGGGCTTCAACTCTGTTGGCTTCTACCAGATGACGAACTGGCAATCATCCCT
GTACCGTTCTTTGGAGACCCTTTTCTTCAGGAAAAAGTTCAGTAAAAGTATCCAGTTTTCACTCATGATCCTCC
TCCTGGGTGGTTGGGATTGCAACTGTGACGGATCTACAACTAAATGCCCTGGGGTCTTTCTTGTCTCTGCTTGC
AGTTCTTACCACATGTGTTCCACAGATTATGACAAACACCATTGAGAAGAAGTTCAAAGTTTCTTCAACACAAC
TTCTATACAAGTCTTGTCTTATCAAGCATTAAGTCTGTTTCATCGCAGGCCATTCCGGGAATGGTGTCTAACTG
ATCTAAATGTTTTTGCTT

>trans_s_13294NM_001068167|Oryza sativa Japonica Group Os08g0359600 (Os08g0359600)
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTCTTTTATTTTCCGAGAGTTCTTCTCCTTGCTTAAACCCTATTTACGTTAAGCCACCCCGCCCT
CCCATTACATGGTACTCCGCCCCACCGCACGCCGTTCTTATCCAGATAGTTCCTGAATCTTTGTAATTTGTAGCA
GCTTCAAGCTTAAAAGGGTTTAGGGTTTTCAATCGCTTGCCCAAGATGAAGCAAGTAGTGGGTATGGTGGTTT
CAAACAAAATGCAGAAATCAGTTGTCGTTGCAGTGGACAGATTGTTTTATCACAACTCTATAATCGCTACGTT
AAACGCACTTCCAAGTTCATGGCTCATGACGAGAACCAACAGTGAATATTGGTGACAGGGTTAAATTAGATC
CTTCTAGGCCATTGAGCAAGCGTAAACATTGGGTGGTTGCTGAAATTTGAGGAAAGCACGAATTTACGAGCC
ACCATCACAAGATAACCAAAGTGTTCAGACAAAAGCAATGTTTCAGCTCCTTCAACCACTTAAGAAGAACTA
CTGCAAACCACAAGACCAAATTCGATCTCGCATTGCATTGGAAAACTGAAGAACGGAACTCTGGACAATGAA
CTACTTCTGTAAGCAGTATGTTTCTCAGATTAAAGATTTGTAGTTACATTACCATTTCTGTTTCTTACTGTTGTGTG
AACCTTCTTCTTCTACGAGGCATTTTATCTCCACAAGTGTGTTGTGATGTTAAAAATGCATAATAACATAT
TCAGAAAGGTTCTATCCATCAGATCATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13295FJ708814|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-
RLK) mRNA, partial cds

ATTGCGGTTGGAGCTGCAGATGGTCTAGCATATCTGCATCATGACTGCAAACCAAAGATAGTTCACCGTGATA
TCAAATCAAATAACATTCTCCTCGACGATCACTTTGAAGCTCACGTTGGTGACTTTGGTCTAGCGAAAGTTATT
GACATGCCTCATTCTAAATCAATGTCAGCAGTTGCAGGATCATATGGATACATTGCTCCCGAATATGCTTACTC
TATGAAGGTTACAGAAAAATGTGATATTTATAGTTTTGGAGTGGTCTTCTTGAGTTGTTAACAGGAAAAACTC
CTGTACAGCCATTAGATCAAGGAGGTGATCTTGTAACATGGGTAAAGAATTTATCCGTGACCATTATACAC
GTCGAGAATATTTGATTCTCGGTTGAATCTTCAAGACCGAAGTATTGTTGAGCACATGATGAGTGTACTTAAA
ATTGCTTTAATGTGTACAAGTATGTCTCCGTTGACCGACCATCAATGCGGGAGGTTGTATCGATGCTTACAGA
GTCTAACGAGCAAGAAGTGAATTTCAATCCATCTCCGATTCCGATCTTCTCTCAAAGATAATACCGTATGAC
AGTTCATCAATTCTTGAAGTTTCATAAGATGGCTATAGTTTCTGATTTGTTCTCTCTGATTTTTTTTCTAACAGG
AAATTGATTAGTTTCATAGTTTTTTTTTCTCTCTTTTAGAAAAATGTTTCATTGAATTGTCTTTTCAGTTATTGG
GGGTAAGTGGGTAAAGATAGATATTTTCCAATTCTGTATTTTTGGTAAAAGGAACTAATTACAATTTTCGTGTA
CAGTTGGTAATACCATTGT

>trans_s_13296NM_001126006|Arabidopsis thaliana nucleotide-sensitive chloride conductance
regulator (ICln) family protein (AT5G62290) mRNA, complete cds

AAAAAGAGAAAAGGTTGTCTGAAGGAAAGAGTGTGTTGGGGTTTTAAACACAGCGGTAGTGAAGAAGAAGAGTT
AAGGAATTAGGGCTTTAGACAGAATGACAATGGGACTAAGGCTTTACACCGAGAGAACTGGCAATGGTCTGG
GATTACCATCTTTGACGTTGATCAAGGCGAGGTTCTCATGCACGTATTGCCCCCGTCGGCATCGTTTTCGAT
AATCGGCCCCCGAGTTCCCCGGCACTCTCTACGTCTCCTCCAGGCAAGTGGTTGGGTTGAGTGATGCGAACA
TGGCAAAAGGTTATGCAGTTGATTTTCTGTCCATGTCATTGCATGCAGTTTCAACAGACCCAGAGGCCTATCCG
TCTCCTTGTGTTGATGTTTCAGATTGATACTGGAGACGATGAAGAGTTAGAGAATGCAGATTGAGAATGTCATG
GTGAAGAGTCTGAGAATTTTGACCTAACTGCAGTTAGAGAGATGAGGCTTGACCTTCAAATCCCAACGAATT
AGAACTCTGTTTGAGATATTCTGCCAGTGTGCTGAGCTTAATCCTGAACCAAATGGAGATGAAGAAGAACAA
GAGCACAAGTGGATTGTTGGTGCCGATCAATTGGAACAGATGCCAGGACTTGCAGTAGCAGGAGATGACAAA
GAACAATTCTCCTCTATCCCACCAAGCTCAATCGGCAACTCAAATGGAGATCATGATCAACTAGCTCGCACAGT
GCTTCAGCTTCAAATCAATGATCAGCGTTTTGAGGATGCAGAAGAGATGGAACCTGAAAACAACAATGGTAA
GCATAGTTAGAGCTTGACCTTANGAATCAGACT

>trans_s_13297NM_180197|Arabidopsis thaliana protein arginine N-methyltransferase family protein (PRMT4B) mRNA, complete cds

TCTTTCTCCCTGCCGGGCGGCTGCTTCCATTGAATTTCAAAAACCTTTTCGTTTCTCTCACAAAACCCTAATTCT
CCACCGAACGCCTTGCACTACTGAAGCTTCAAACCTCCCTAGTCTTCCGAGCATAAATTTCTGCTTCAGGTTTTG
CATAAATGGAAGACTCTTTAGGGCAAAGCACAAACCTCACGAGTTCCTCTGTTTCGATTTCTGAACTTGCT
TCTTCGTCTTCCTCATCGTCCTTCTTCTCCTCACCGGGGGCCGCGCGGTTCTGCGGAGATTCAGGTGCGGCAGA
GCTTCGGTTACGGCAGGAAACCGATTCTGATGACCATGCTTTCGATCTTCGGACTTCTCACATATTTCAATTAG
GACCTGTTTCAGACAGTTTGCAATTTCCGAAGGCGATGCCAGGGAAGTTGAAATCTCATTCCAGAGGAGTTACCA
TTCAATTTAGAAATGAGGAAGAGAGCAGTGCGTTTCATTCTGCTTTTGATCAGAAGAAAAAGGATAATATTGT
CCAAGGGACCACCCCTTTACCAAATGGTGAAATTTCTTCTTAAAAAGCAAGTTCGATGATAAAATAGAATCGT
CGTCTGCTAAGATGTACTTCCACTACTATGGACAACCTTTCACCAACAAAATATGTTGCAAGATTATGTGAGG
ACAGGGACATATTATGCAGCAGTAATGGAAAATCGTGCCGACTTCACAGGCCGAGTGTTGTTGATGTTGGT
GCCGGTAGTGGTATCTTGTCGTTATTTGCTGCTCANGCCGGTGCAAAGCATGTTTATGCTGTGGAAGCATCTG
AAATGGCTGAGTATGCTCGTGT

>trans_s_13298NM_001059399|Oryza sativa Japonica Group Os04g0438500 (Os04g0438500)
mRNA, complete cds

TCCTAGCTTCAAATTGATTTGTTTGTCTACGTGGAATTTGGACTCTCTTGACGTAGATCTGCTCAGCTTCT
TACCTCTTTCATCCTAATACGCGGTCAATTTACTGATTGTTCAAGGGATCACTCATCGACAGAGATCAAACCTCTC
AACTTTGGCTTCAGGTATGTTCAATTTAATCCCATCACTTGGATTTGTCATATCATGACAAATTTTTCATATGGG
TCTCCGAGTCCTAAGTCCTTCAATGCATATCCAAGAGGAGGTGACTTCGATTTAGAATCTGGAGCAACACTGA
AAAGAATTCGAAAGTCCAAAAGTTCCCAAATCTATATTGTGAGAATGCTTAAATCTGTTGGTAACCGTATCCAC
CACTATTACAAGTTGCACCCAGTTATAGTTCTGTTTCATCTTTTTGTCAATTGGGGTGACACTTCTTATGATCCTG
TCTGTGTACGAAAGTCATTATCGGATGGCGAATTATTACGGGAAATTGAGTGTAGATTCTGAAGCATTCCCAT
TTGCGAAGCTTCAGAATCTTGTTATGGTTGCGGGTCATTCGTTTTATGTTAGTAGCAGTTGTGAGAAAGTTGA
GAAGGAAGATTCTTGGGTTTTGGAATCGTATCAGAAGCATCCAGGCCAAGCTGCTACGTTTATTTACATATTA
AAGAGGGAGTTGAGATTGCAGCAATGGACGATGCTGCATTGTTGCTGTTTAGTGGTGGTGAGACTAGGAAAA
ATGCTGGTCCCGAAGTGAGGCACAGAGTTATTGGGGCTGTTGCTGAATCAAAAGGATGGGTTGGGAAATAA
GAGAATGTGAGGGTCAGAGCACT

>trans_s_13299Y17192|Cucurbita pepo mRNA for peroxidase

TGGTTGTTTCATCACCAAACAAGATGGGATCTTCACTTCTTCTTTCTTTGTGTGTATTTGTTTGTAACCTC
TTACGCCCAACTCACTGAGAATTTCTACGAACAACTTGCCCTCGTTACCTAACATTGTCCGTCGTGAAGTCA
AAAAAGCTATCGAACTGACATCCGCGCCGGTGCTAAACTCATTGCTTCCATTTCCACGATTGTTTCGTCCAA
GGGTGCGATGGGTCTGTTTTGCTAGAGGATCCTCCTGGCTTCGAGTCCGAGCTCAACGGACTTGGAATTTAG
GAATCCAAGGACTCGAGATTGTGACGCTATCAAAGCAGCCGTCGAGAGAGAATGCCCTGGCGTTGTCTCCT
GTGCCGACATCTAGCTCAAGCCTCTAAAGACTCCGTCGACGTGCAAGGAGGACCCAGTTGGAGAGTTTTATA
CGGAAGAAGAGATAGCAGAACAGCCAATAACCATTGGGCTGATGAACTCCCAAGCCCCTTGAAGATCTTCCC
CCTCTCCAAAAGAAATTCGAGATGTTGGGTTGAATTCAACCGATCTTGTGGCTCTATCAGGGGCACATACGTT
CGGGCGGTCCAGATGCTTGTTCTTCACTGGTCTGTTTCTCAACTTCAGTGGCAGTGGGCAGCCAGATCCGACG
CTGGATCCAACGTACAGGCAAGAACTTGAAAGAGCTTGACAGGCCAGAAACACGAGTAAATTTTCGATCCA
ACAACACCGGATACATTTGATAAAAATTACTATACCAATCTTCTAGCCACTAAAGGGCTGTTACAGAGCGACCA
AGTTCTGTTTTCAACACAAGGGGCTG

>trans_s_13300XM_002331297|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP72A43), mRNA

AACTCCATGAGTATATATAACAGAGCCAGAACAAAGTGAAGATTGTTTTCTCTCAAATCAATGAATTCATAAGA
CCTCTTCTTTCCCTTTAGAAGAAGAAAGGGAAGTGGGCTTGCCTCTCTTGAGGGACCTAAATGGGCTAAACA
CAGAAAGATCATCAACCCTGCCTTTCATGTGGAGAAGTTGAAGGATATGTTCCAGCATTCTCGAAGAGTTGT
AGAGAAATGGTTAACAAATGGGAAAACATGATTAGTGAAGAAGGAAGAAGTGAAATAGATGTGTGGCCTGA
CTTACAAAGCATGGCTGCTGATGTGATTTCTAGAACTGCATTTGGAAGTAGTTATGAAGAAGGAAAAAAATC
TTCCTGCTCTTGAAAGAGGCAGCTTCGCTATCCACTACATACCTAACAAACAGAATCTATTTTCATCCCAGGGTTT
AGGTATATGCCAACTAAATTAACAAGAGGATGCGAGAGACTGATAGGAAAATACGAGATATGGTTTTGAGT
ATTATAACAAAAAGACAAAATGCTATGGAGAAAGGTGAAGCTTCAAATAATGAAGATCTTATAGGGATCCTAT
TAGAATCAAATGCAAGTCAAATTGAAGAAGACCAAAACAAGAAAGAAGTTGGAATGAGCATAGAAGAAGTA
ATTAGTGAATGCAGGCTTTTCTATTTGCCGGTCAAGAAACCACAGCCGTATTGCTTGCTTGGACAATGGTTCT
ACTTGGTCGATACTCAGAATGGCAAGATCGAGCAAGAGCAGAAGTCTTGGGAGGTTTTTGGTGATAACAAGA
AACTTGGATTTTGATCCTCTAAGTCATCTAAAA

>trans_s_13301NM_125596|Arabidopsis thaliana diphthamide synthesis DPH2 family protein
(AT5G62030) mRNA, complete cds

TGGTTCATACTTCATAGGGTCCCTAAATTTTGAATTCGCTCATCAGTTTTTCTCATACCAAAAATGGAGTCGG
AGGTCCAAAAGCCTTCATCAGAGCTCGCCGTTATCTCGCAAAGCACCGAGGAAGACAAACCACCGCCAAGATC
CAGGCCGCCCCGAAGCGGTTTGTGAAGAATCAAATCCCGATTCCATCCTTAACGATCCTGCCTTGAACGCC
GCCACTTCTCTCCTTCCAACTACAACCTTCGAGGTTACAAAGTGGCATGGCGAATTCTCTCCTCCTCCGCC
TCCCGTGTTCGCTTCAGCTCCCCGAAGGTCTTCTCATGTACTCTCTCATCCTCTCCGATATCCTCACCATTTCG
GCAAAGCCTCCCACTGCTTCGTTCTTGGCGATGTCACTTTTGGCGCTTGTTGTGTTGATGACCTTTCAGCCTCCG
CTCTCCATGCCGATCTCCTCATTACGGCCATAGCTGCCTCGTCCCTATCGACTCACTACCATTCCCTGCCT
CTATGTTTTCTAGACATTGCTATTGATGTGCCTCGTCTTGTTAATACTGTTCTCAATGTTGATTGCCTTGAT
TCCACAACTTGGTACTTGCTGGAACAATTCAATTCGCCTCTGCTATTAGAGCTTCGAAGATGGAGCTAGAGA
GACATGGCATCAGGGTTTTAATTCCTCAGTCCAGGCCATTGTCTGCTGGGGAAGTTCTGGGCTGTACGGCTCC
TAAAGTTTCTACTGCTGCGTTCCGGTAATAATGGGGAGACTGTTGCGATTTTTGTGGCCGATGGGAGGTTTCAT
TTGGAAGCTTTCATGAT

>trans_s_13302NM_001124007|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein / protein
kinase family protein (AT1G53430) mRNA, complete cds

CAGCTTTGGAATAGTTGCCTTAGAGATAGTTAGTGGGAAAAGTAACACAAATTACCGGCCGAAAGAAGAGTT
TGTTTATCTTCTTGATTGGGCCTATGTATTGGAAGAGCAAGGTAACCTTCTAGAACTAGTAGATCCAGACCTTG
GTTCAAATTACTCATCAGAGGAAGCAATGAGGATGCTGAACGTAGCTCTCTTATGCACCAACCCATCTCCAAT
CTCAGACCAGCCATGTCTTCTGTGGTGAGTATGCTTGAAGGTAAGATTGCAGTCCAAGCACCGATCATCAAGC
GCACTTCTTCCGGCCAAGATCCAAGGTTTAGAGCCTTCGAGAAGCTCTCACACGACAGTCGATCACAGATTTC
AAGCTCAACCGCATCTGATGCTGAGCCTCAAAAAAGTATGTTAATGGATGGGCCATGTCTGATTCTTCAGTG
TCTATTGATACCAATGGCAATAATCACTACCATTCTGCATCGCGTGATCCCGTTGAGAATCATCGTCGTGTGGA
TAATTTGAAGGAGTCACCTAATTAATTCTACCAAACAATTGTTATTTACTTATCTTTTGCAGGCTATGTGTTAAT
TGAAGTGATTATGATTCTTTGTACAAAGGTAAGGAAATACTCTCTGGAATTGGTTCTTTTTGGCAGCACACTT
GTGTGCATTCTGCAGCGTACCATTGTAACCTTAGCCGTGTCCTGGTAGAACAATTGTACTATAAACAATTTAA
ATTATATTGGAAAAATTTGATCATTCTAAAATGTATTTATCTATATGTATCTATGTATATATCTAAGAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13303NM_001064569|Oryza sativa Japonica Group Os06g0607800 (Os06g0607800)
mRNA, complete cds

GGAGTTACTTAATCAACTTGATGGTTTTGATCAGCTTGGCAAGGCCAAAATGATAATGGCCACAAACAGGCCC
GATGTTCTTGACCCTGCACTTCTTCGACCAGGGCGATTGGACCGCAAAAATAGAGATTCCCCTGCCAAATGAGC
AGTCCAGAATGGAGATCCTTAAGATTCACGCGGCTGGAATTGCCAAGCATGGTGAAATTGATTATGAAGCTGT
TGTGAAGCTTGCGAGAGGGCTTCAATGGTGCTGATTTGCGAAATGTGTGCACTGAAGCTGGAATGTCAGCTATC
CGTGCCGAACGTGACTATGTTGTCCATGAAGATTTTCATGAAGGCGAGTAAGAAAATTGAACGAAGCAAAGAAA
CTCGAGTCCAGTGCACACTACAGTGCTGATTTTGGGAAAGACTGAAGTCATGTGTTTTACTCTTAGCGGCCAA
ACAACTCTTCTAAGCACAACAACTTCCCTTCCCTTCCCGGCGGGACGATACGGTCTTTCGCTGCAGGCAGGCCTC
AAAAGTGAAGCTTTTTACTGGCATCACTGCTTATCTTTTAGATGTTAGAACAAATAGGAATTTGCTTGTATTTGAGA
TCATAGATGGGAGATAATGAATATTATTCATGAAAATGTGGCTATTCTTCTTGTGCTTATTTTCTTTTCCAA
GCCGAGAGATGAATTTTGTCCACTGTGATTATTATTTACCCAAACATGATATCGGCGGCAGAAATATACGGTTG
ATTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13304BT011962|Arabidopsis thaliana At5g15640 mRNA sequence

TTTCTTCACTGCCAACGCGAGACAGGCGCTCTCTTTGACGAACAAAGAAGAACAGCGAAGAATTTACGATT
AACAGAAAGAAAAACCGAAACACCCTTTTCCACGAGACTGTTTTCTCTCAAGCAATTATTTGAGAGAAACC
CAAGAAATGTTTCGTCGATATTTGAAGAACTCGCCGACCCACTTCCATTTTCGTATCCTTTTTGGCTTTTCTTCTG
TTGGTCTACGTGATTTACGTCGTCGGAACGCCTCCAATCGTTCTCGGCGACATTAATTGGTTTCCCGACTTTTTG
GAATCATCAATGCGTTCCTGATTTTCTTTGCCATCTTGTTTGGTTGATTTCGCATAAGGGAGGCCATGAATGCG
AATAGTTCGCGATTTCAATCGTTTGGTCAAAGTGAAGTCAACTGGGACAAGCTTGATAAAGCAAAATTTTATG
GCGTAGGAGCTGGCCTCTTACTGGGATTACTGTTGCACTGTACCCTGTTTCTGTTGTGAAAACGAGGATGCA
GGTTGCTGTAAAGGATTCTGCCGAGAGAAATGCCCTGTCTGTTATTAAGGCTTACTGAAGAATGATGGGGTT
CCTGGTCTTTATAGAGGGTTTGGCACAGTAATCACTGGTGAATTCCTGCAAGGATCATCTTCTTACTGCTTT
AGAGACTACCAAAGTGGGAGCCTATAAACTGGTTGAGCCATGTAAATTTTCTGAACCTACACAGGCTGCTTTG
GCAAATGGGTAGCTGGCATGACTGCATCACTTTTTTCTCAAGCTGTTTTCTGTTCCAATTGATGTGATTAGTCA
AAAGCTAATGGTTCAGGGATAC

>trans_s_13305XM_002332384|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

ATCTCAACATATCTTCATTTTAGTTCACTCTTGTTGACTCTGTCCAGAACTTCTGCTCTGGGAAGCCTCTTCGTCT
ATCTAATAACTCTTTCGTTCCCTTCCTTTTTCATCTGATCTCCTCGGAACAACACCGGGAAAAAGGCAACGGGT
ACGGCTTTGCTGGCGACTCAAACAAGAATCAAAGAACATTTTCATTTTCTCTCTGTTTCGCTTTTATTATC
AGCGAGCATCAATGAATATGGAGCAGTATCTTCTGAAAGACTTCGAAGTCGAGCCAAAACATCCTTCAGAGCA
AGCCTTGAGGAGATGGCGATCTGCCGTCTCAATCGTCAGAAATCGGCGACGGAGGTTCCGAAACATTGCAGA
TCTCGACAAACGCTCCGAGGCTGAGAAGAAGAACTCAAATCCAGGAAACAATTCGAGTTGCTCTTTATGTT
CACAAGGCAGCATTACAATTTATCGATGCCGTGAATCGGGATGAGTACCATCTGTCAGATGAGGCTAGGAAT
GCTGGCTTTAGTATTCATCCAGATGAGCTTGCATCCATTGTTCTGATGCCATGATTACAAGGCATTGAAATTTTA
TGGAGGTGTGGAAGGACTTTCAAGGAAAGTTTCTGTCTCACTAGATGCTGGTGTGAGTGAAGGATACGTC
CAAGAGACAAGAGATTTATGGTTATAATCGTTACACAGAGAAACCTTCCAGACCTTTTGGGTGTTTGTATGG
GAAGCATTACACGACGTGACATTAATCATCCTAATATTTTGTGCACTAATTTCTTAGGTGTTGGAATTTGCACA
GAANGATGGCCGAAGGGACATATGA

>trans_s_13306BT010574|Arabidopsis thaliana At4g09730 gene, complete cds

CGCACTGGAAGAACCGCTCGCATGGGTGCAAAAGGAAAGGTGACGAGCCTGGTTGGAAAAAGGACGATAT
TTTGGCTACTCGCATAGAGGAAGCGATCCAGAAAAATGAGAGCTTGAATCTCTAACTGCTGATAGCGTGCG
GAGAGACATTGCACGGGATCGTATAACAGAGCATAAACGAAAAATGCAAACTGATCAAGGCTTCAACTGG
GAGTAGAGCTAAATCAGCAACATCAGCGCCAAAATCTTCAAGTGTCCATTCTAAAGGTGAACTGGAAAAGC
ATCATATTCAGAAAGGACCCAGAAGCCTGGTGTTCAGTTTCTAAGCCTGTAAAATCGTCGAGGAATATCCCA
AGAAAACCATCTTCCGAAACGAAGAAGCAAGTGGCTAGCAGAAGGCGGCCTGGGAGTGCCATCAAATCGTCA
GGTCAGAAACTAAATGTAGTTGGATTTAGAGGCCGAAGCAACCAGTTTGATAAGAGACGATCAGTGTCCAGT
TAAGTGGAAGTCAAGTTTAAGATAATAATTCAACATAGTTGTATTTATATAAACTTCGGTAATTTTTTGTTTAG
TTCTTCAATGTGAAATGGCTTGAGTACTAATTTATTGTTTTAGGAGTTCTCAATGGGGAAATGCCTGGATGAGT
GTAAATCTGAGTACAAATCAGTTACAATCTTCCCAAGTCTCTTTCCATCAATCATTTTCTTTTATTGTAATTT
TTCTGTTTTGTGGATGGAAGCCACATTATCTTAAACAAATTTAAAAACCGAATAATGTATGAAAAATCACTTG
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13307NM_001084915|Arabidopsis thaliana RTFL12 (ROTUNDIFOLIA LIKE 12) (RTFL12)
mRNA, complete cds

CTCAAATCCGTTCAACTTATCATTTCCCTCTTTCTCTCCTTCTCAAATTCCTCCGTCCACCGGTCTCCACCGTA
ATGTCCCTCGCATACGCCGTCGCACACTCTTCGCAGTCGACGCAACTCTGCCTCAGAAACCGCCGGAACCA
GTTTTCGAAAGCGATGCTTCCGGATGATCAAGCAACAGAAAACCAGATTCTATATCCTCGGCCGTTGCATCTCC
ATGCTTCTTTGTTGGCAGCATCATGATATTCCTGATTAAATCGCCTAAATCCACCATCGATTGTTGTTTTCTCCC
TCTGAATACGACAATATCAATGTTCTTTTAGTCCGCGAGAGCCTCCGATCGGAAATTGAACTCCGATTCTGAAC
GAATTGGAGGTGAATCGGAATGTTGATTAGGTATGAAATAGATCGGAGGGGTTAGGTATACGGTTTATTAAT
TTCTCACCGGCCGTTAAAATACAGCGCCGTGATTGTTTCGCTTGGAGTAGATTTCTTTCGATCGGCAGAGAATA
GACAAATTGAAGGCAAGCGAAAAGTAAATTTCTTTGAACTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTAATTTT
AGTGTGATATTAGATCGTTGATGAATTCATTGACGGATACATGTATATAAACTGATTAGAAATTAATTCG
GACTCTGTTTTGAGAACGATTTGAATTGAATCTGTATTTATGAATTTTGTGAGATATCAATCATCAGATTATT
AGTTCTTATCTTAGTGATTGTTTGCAAATTATGAAGGAAGTCAACCTTTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13308XM_002882996|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatase 2C family protein,
mRNA

AAAAAGAGAAATGCGGTATTCAGATCTCCGAAAGATTGACAAGAAGGTTGCGCGTCATTTTCACGATGACATT
AGTGTTATCGTTTTATTTTCAACCACGATCTTATATCCAGAAACAATGTCCTCCTAGATCAACCATTATCAGTA
AGAAGTGCTTATGACCATTGATTAATTTTGTTCCTAAATATTAAGAAATCAGATAGAGAAAAACGACT
AAATTAATAAATTACCCGTATAACTTTGCTCTTTATTTCAAAGTACACATATTCTTCAAACCTTGTAATATT
GCCCCTTGATCTTTGTAAATGTTTCAAACCTATTGTTGGGGTAGACATCATTTAGAATTGTGAATGGAAATTG
AGATCTGAAATGAGGTGTTGGTATTCCGGTCTCTAGTTTCAGGTTCAATTTTTTTCAACATTCTAATGGTATTT
TCTGAAACGTTTATGAAAGATAAGTGTAATATTGCAACCGTTGAAACAATAGAGACATTTTGTAGATAAAGGA
GCAGAGTTGTGGAGTACTTTTTATAATTTAGTTGACAAAGAAGGAAAAACATCCATGTAATTTGATTGTTAGAT
ACATCCGGATCCATCATAGAGAGGTTCACTGATACGAAGAAACATATTGAAGACTCTTCAAAGTTTTTTCTT
TTTTGGAAAGATTTGTATAACTTGTTGCACAAATATTTACTGTCAGACCCACCATGTGTAGAACCAGATTA
GATATTTAAAGCTCATCTGGGGCTGTTCTTTGGATTCAAGTAAAAATTCAGTAACCCAGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13309NM_101822|Arabidopsis thaliana wound-responsive family protein (AT1G19660)
mRNA, complete cds

AGTGGTAAAAGAGATGGTTGACAAGATGGGCTATGAAGTCAAACCTGTAAGGGTTACCAAGAGAGTACACG
AGGCATATTTTGCTCAGTTATACCTCTCAAAGATTGGCTGTGAGACGAGTCGCCTCAGCTTTGATCTCCGACCT
TCAGATGCAATAAACATTGCAGTCCGATGCAAGGTGCCAATTCAAGTGAACAAGTATCTTGCATATAGTGATG
GTATGAGAGTTGTTGAAAGTGGGAAGCTGTCAACTCAGGCCCCGGCTACGGATGGTTTATTATTCACTGAACT
GGATAGGCCTAGTGGTCAGCCTTGTGTTGAAGCTAAAGAGTTCAATCTCGTGAGGAACATGCTGATTGCTGCT
GTTGAAGAGCGCTATAGAGATGCTGCTCAATGGAGGGACAAGCTCAATCTCCTGAGGGCTAGGAGGAATTTG
GCATAACAAGAGTTACTCCTGGAGATAGCATACCTGTACATAGAACGGAATTGTTTCATGGCTGAGGTCCGTTT
GTGCGGGTGAACCACATTGCCTCTGGCCTCTTCTACTTGCAATTATGTATTTAGCAACTCTGTGAATACATATCTA
TATATATATGTAGATAGAAGTTGGGTGGTTTTGGGTCATTGGATGCGTTATTTGTGAAATGCATGAAATATAA
CCAATTTGCTTTGATGTTCCACAATCACAAAGATGAATTTGTGAATGAACTACATTGCTTATTTATAGCAGTGA
CATAATCGCCAAGGTCCCATTGTATAAGATAGGTATATATTATTTATTTAAAGATGTTCTTTTAGTTTAAACA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13310AY069920|Lycopersicon esculentum GTP cyclohydrolase I mRNA, complete cds

CAATCAGAGATGAATTTTTGTTCTGGTCTCAATGTGAGCACCATTGCTCCCCTTTACGGCGTCGTCCATATA
GGATTTCATAAGAGATGATGGACTCACTCCCCTTGAGAAATCACGTTTAACTCAGTAATACATTTTATGGTTT
CAAGCTCCAAGTTCAGGAAAGAATGACCAGGCAGATAGCAGAGACAGTTTCGTCATTATTAGGAACAGACGT
GATAGTTGTTGCGGAGGGAAGTCATACCTGTATGATCTCAAGAGGAATCGAGAAGTTTGGTAGCACAAACAGC
TACAGTTGCTGCGCTTGGTCGGTTTTCATCTGATGCAGCTGCAAGATCCATGTTCTTGACAGAGCATTCCACAAA
CTACCATTGGAGAACTGTAAGGTCAACCTTATGGTTATCCTATTGAGTTTCTCGGGAGGTTCACTACTCAGTCCC
ATTGCACTGATATTGTCTGCTTCTCTCTAAACCTTTTACAATAAACTCTTGGGTCATGTCAAAGCGTTAGAAT
GTTATATATAAGTTTTGCTCAATTTGATTAGTGGCTACATACACAGCTGGCTGGCAGGGTATATCTTGTGGGTC
ATTGTCCCATTTCGTAGTCTATTTAGTTGTTTTAGACCAAAGGGATCCGAAAGAGATACCCTTTTATACTTTATTT
TTGTTGTTTAGGAGCCCAGGAGTTATAGCTTTTCAACAATTTCCATGGCCAATTTTGGTGCAATTCCATTACTAG
GATGTATATCAATGAAACCTATATGTATTTGAGTCCACAATATATTTCCATCAATTCTTCGGAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13311AB055116|Cucurbita maxima Puga mRNA for glutathione S-transferase, complete cds

AAATCCTGGATTCTTGCCCCAGCATGTTTGGGATGAGAGTTAGAGTAGCTTTGGCAGAGAAGGGTGTGGGTT
ATGAGTGTATCGAAGAAGATCTGAGTAACAAGAGCCCTTTGCTTCTTCAAATGAATCCAATTCATAAGAAAAT
CCCAGTTCTTATTCATAATGGAAAACCCATTTGTGAATCTGCCATTATTGTTGAGTATATCGATGAATTTTGAA
TGACAGAGCTCCTCTGTTGCCGTCCGATCCTTATGAACGAGCTCAAGCCAGATTTTGGGTTGATTTCATCGATA
AGAAGCTTTATGGAAGTGTGAGGAAGATATATGGTGGAAAAGGAGAGGAGCAAGAGGAAGGGAAAAAGGA
GATGATGGAAATATTGAAGGAATTAGAAAAAGTGCTTGGAGAAAAGGATTATTTTGGAGGCGAATGTTTTGG
AGTTTTAGACGTATCTTTGGTTGGATTTTCAACTTGGTTTGGTGGTTTAGAGAGCGTTGGAAATTTTCAAGCATTG
AAACTGAGTGTCCAAAGTTAGTGAGTTGGGCGAAAAGATGTTACAAAAGGAGAGCGTTTCTAAATCCCTAC
CTGACTCTAACAAGATTTCTGAGTTTATTGTTCAATTCAGGAAAAAGATTGTTGGGTAACCAAGCTTGGGCTGC
TTATTATCATCTTCATTTCCACCACCTTTTTGATGGGATTGTATGTGTTGTTGAACAATATTGTTACTATCATGT
ATGTGTGTTTCTTTGCTGATATTTCTAGATCACAAAATATTATATATTATTTTACTACCCAGCTTCTCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13312AF067732|Hordeum vulgare ribosomal protein S12 (rps12) mRNA, complete cds

CCTCCTCTCAGTTCTGTCGCCGCCGCCATCTCTCAATCTCTGATTTTCGTGCAATAGGAAGGAGGTAGAACTTC
TAAATCAAGAAGAAAAATGTCAGCTGATGAAGTTGCTGTTGTGGCTGAGGCTCCTGCCCCAGCTCTAGGTGA
GCCGATGGACATCGAGACTGCCCTGCAGATTGTTCTTAGAAAAATCATTGGCTCATGGTGGACTTGTTTCGAGGT
CTTCATGAGAGTGCTAAAGCTATTGAGAAACATGCTGCACAGCTCTGTGTCTTGGGAGAAGACTGCAACCAGC
CAGATTATGTTAAACTTGTCAAAGCTTTCTGCGCAGAGCACAATTGTAACCTTGATGACAGTCCCAAGTGCAAA
AACTCTTGCGAGTGGTCTGGTCTATGCAAGATTGATTCCGAAGGAAAGGCAAGGAAAGTTGTTGGTTGCTCT
TGTGTCGTAGTTAAGGACTTTGGGGAAGACCACGAGGCGCTTCACATCGTGCAGAAGCATGTGAGTTCAAGT
TGATTACCAAATGGTGTCTGTTGAGATTACAGTTGTTGGTCTCATTTAGAAAGTTTTTGATCGTTAGTTATGTC
TAGATTTGGTGCACTGTTGTTGCTTAAACACTTTTACCTTCACCCTATAATGTGTTTTTCTTTATCGATTGATTGG
AAAGACTAGTTTTTATCATCATCTGAGTCCATTGACGTGGAGCTCATTATCATTCCGGCCAACAGAACAAATTTA
TCTATCAAGAGTCTTCTTGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13313BT024891|Arabidopsis thaliana At3g14150 mRNA, complete cds

TTTGTAACCTGCACGCTTTCATTAGCAACATTTCTGTCTACAACTTCCCCTTCAACTTCTCGACCCATTCTACACT
GAACGCTGCACTTTCGAGCTCGCCAGCTTCGGTCTAATAAAATCTAAGGGTAACATGTCTTCAGAACCAGTG
AATGTGAATGACATCAAAGAATTGGCAAGGTTGGCACTTCCAAAAATGTACTATGATTTCTACTCCGGGGGAG
CTGAGGACGAACACACTCTTAGAGAGAACATACAGGCTTTCTACAGAATCACGATTCGACCTCGTGTTCTCGT
AGATGTAAGCAAAGTTGATATGTCAACAACCATATTGGGACATCACATCTCCGCACCTATCCTGGTTGCTCCCA
CTGCTGCACATAAGTTGGCATTCCATGAAGGGGAACTAGCCACCGCCAGGGCAGCTGCTGCTGTAAAACTAT
AATGGTTCTGTCTACTCCTCGACCTGTTCAATAGAGGAAGTTGCCTCTAGCTGTAATTCCGTCGGTTTCTTCCA
ATTATATATTTTCAAAGGCGTGATATCTCGGCTCTGCTAGTACAAAGAGCTGAGAGATGTGGATACAAAGCA
ATTATCTTGACTGTTGATACACCTCGACTTGGTAGAAGGGAGGCTGACATAAAGAACAAGATGATTGCACCTC
CAGTGAAAAGTCTAGAAGGCCTCATCTCTATTGACGTCAAGTCTGATCAAGGTTCAAATTAGAACTTACGC
CAACGAGATGTTGGATGCATCTCTAAGCTGGGAAGATATAGGGTGGTTAAGATCGATCACTACTCTGCCAATT
CTAATAAAGGGAATTCTCACTCCA

>trans_s_13314XM_002881903|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata autophagy 4a, mRNA

TTCTTGGACTIONGAAAAAATCAACCCAAGGTACATCCCATCATTGCGTACAACATTTACCTTTCCCCAAAGCCTG
GGAATCTTGGGAGGGAAGCCTGGTGCTTCAACATACATAGTGGGCGTTCAAGATGAAAATGCCTTTTACCTTG
ATCCTCATGAAGTTCAGCAGGTAGTTAATATTGATAAGGATGACCTAGAGGCTGATACTTCTCTTACCACTGC
AATGTCATCCGGCAGATCCCGTTAGAATCCATAGATCCTTCTCTAGCAATTGGATTTTATTGTCGTGACAAAGA
TGATTTTGACAATTTCTGTTATCGGGCATCGAAGTTGGCAGAGGAGTCAGATGGAGCTCCATTGTTTACTGTT
GCTGAAACACATTCCACAAATTCAGGGAGACAGAGCAGTGCATTGAATGACCATAGTAGGTTAGTGGAGGAC
GATGCGGATGGCGCGGTGCACATGCCGAACGAAGAGGAAGCACATGAGGACGACTGGCAATTTCTTTGAAC
CGCTTGAGAGGAGGGTTGGTATTATTCCTTGATTACTACTGCTTTAGGCCTCCAAGCTCCCTTGAGCTTTTCTCT
TGCTAATATGATTGAAGTTGATGGGGAAGGGATGGCCAATATGTGAAATGTTTTAAGTTTATTTAGTGTTTAA
TTGTACAATCAATAGGCGTTGAGTTTATTTGTTGAATTTGTTTATTCTTGATCCACTTTTATTTGAAATTAGCCTA
CATTCGTGTGTATAATAATAAGCAGCTTCAATTAAATTCATAAATGAATTATTAATCTTTTATTCTCTCAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13315Y15076|Glycine max mRNA for ferredoxin thioredoxin reductase

ATCCTTCAGAAAATTCACCTTCTATCAATCATCTTCATCTCCCTAATTCAACATTTCTTTCACCCAAACAAAACAGAA
AACTTTAAACAACTCCACAAGATCCTAATGATTCTACAAGCTTCATCCTTCAATATCGCCGTTCCACTCTCCGG

TTCTCCCTCGGATGTTCTCGTCACCGCCATGTTGTACGAGCTCAAGCGGAACCGTCCGAGAAGTCGGTCGAA
ATAATGAGGAAATTCTCGGAGCAGTATGCTCGTAAGTCAGGAACGTATTTCTGTGTAGACAAGGGGGTACT
GCTGTTGTAATCAAGGGACTGGCAGATCACAAAGATACATTGGGAGCACCCTTTGTCCTTGTCGGCATTATG
ATGACAAACCTGCTGAGGTTGCACAAGGTTTTTGGAACTGTCCATGTGTGCCAATGAGAGAGAGGAAAGAGT
GTCACTGCATGCTTTTCTGACTCCGGAGGGCTCAGGAGCCGGCAATGATCAGGCAATCTCCTTGGAAGATAT
CAGGGCAACAACAGCAAACATGTAACCCCTAATTACCACTTGTTATTTTTTCATTGAACAGTAATTCATATTGTG
GTTATGGCTAAAACAGGTGGAAGTATACAAGTATTGAATGAATGTGTATGTAACAGTAACCTATATGCTGAT
GAGATAATGAATGGTTTTCCCATATCTCCTCCGACAAATGATTGAACTCTTTTCTGTGATGCAAATACGGTG
CATTTAGATTGACTTTATAAGACTTTATAAACACTTGTAAGTCAATTTAAAGACATATTGGATCTCCTTTTGCG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13316NM_001061707|Oryza sativa Japonica Group Os05g0316000 (Os05g0316000)
mRNA, complete cds

AATAAAGATCAAGGGAGCCTCTTTTCGTCATTGACAACAGGATTGTATTTAACTTTCAAGCTAACGTCTGTTGT
TGAGAAGATTCAATCATTTGTTGCTGCATTAAAGGCACTATCACGAAAAGAAGTCCATTATGGATCATATGCCA
CTTCAGAACAGGTAATGCTGCGGGAGATCTTTGTGCTATTTGCCACGAGAAGATGAATGCTCCAATTCTATT
ACGTTGTAAGCACATCTTCTGTGAAGATTGTGTTTCTGAATGGTTTGAAAGAGAAAGAAGTGGCCTCTTTGCC
GAGCACTGGTAAAGCCTGCAGAACTCCGTACATTTGGTGATGGCTCGACCAGCTTACTCTCCAATTGTTCTAG
ACAAAAAATTTTCGATTTCCCAGACATAACAAATCTATCAGTTTAAACAAGGGAAGATATTGATTATTGAACGAA
AAGGGGGAAGAACAAAGATAAAAGGGAGAAAGAAGAAGAAAGAGGAAAAACAAACATCCAGGCAATCCT
GAAGATATTGTGAAATTCAAAGTTGGATTAGTATTATGTTGATGCTTTATAATCTCATTGTGATGAGTTAGATC
CCCAACAGAAGATGGATTTAATAAAATCCATTTTCATTGAATACAATGAAATCTAATTTTTTAAACAGAGGAA
AGGGCTCCAAGTGTGAGAACTGCAATGTTATATGAGAATTGATAGAGAATAAGTGTAAATCCAATCCTTAAAGA
TGATTATTCCTTGTAATTTAAGTATGGAGAGGCTGCCATGTGGAATTTGGTGGTCAGTCTCCATTCGTGATGAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13317AF360139|Arabidopsis thaliana At1g78240 mRNA sequence

TTCAAGGGCTAACTTGAACAAGAGTGAAGTGGCTTTCATGGATTGGCTTTAGATGATGTCGCAGATGATTCT
CTTAAGTGGAAAATGGCAGTGAAAACTATTGGTCTCTTTTGTGCGCCACTAATCTTCTCGGATCATCCAAAACG
ACCAGGTGATGAGGATCCTTTACCCCATACAACATGCTTCGAAATGTGCTAGATATGAATGCTCATTATGGA
GGTTTCAATTCTGCATTATTGGAAGCTGGGAAATCTGTATGGGTCATGAACGTAGTACCAACAGATGGACCTA
ACCATCTTCCCATGATAATGGATAGAGGTTTCGTTGGGGTATTGCACGATTGGTGCGAGGCCTTTCCAACATA
TCCTAGATCATATGATTTGGTTCATGCGGCAGGACTTCTGTCCCTGAAGCAAGTAAGAAGCCAAGGTGCTCC
ATGCTTGATTTATTCAGTGAGATTGATCGGTTACTTCGTCCAGAGGGTTGGGTGATAATCCGCGACACCACCA
CACTTATCGAGTCAGCTCGAACTGTAACACACAGCTTAAGTGGGATGCACGAGTTACAGAAATTGAAGATAA
CAATGATGAGAGAGTGCTGATCTGCCAAAAACCTTTCTTGAAGAGACAAGCAAAGTGATCAGATCACAAATTT
TGAAGGTGAAGAAGTATTTATATTCATTCTGTGGATGATGGAATAACACCATCATAGGGAGGGCCCTCCACCA
TCATATTTTGGAGAGTAGAATCAAATTTCTGAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAACAAGAG
AAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13318AL161561|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 61

AATTTCAATTCCAAATCTCTCTCTCTGTTCTTCATTCCGCATCTTCTCCTTAGTAATTGTCCCCCAATTTAACA
TTTTCTCTCCAGAAATGGGTTTCAAGGGATTTGCCGAAGGAGGAATCGCTTCCATTGTTGCCGGTTGCTCCACT
CACCACTCGATCTCATCAAAGTTCGTATGCAATTGGCTGGCGAGAAACCGGCGCTTCAAATCTGCGTCCCCG

CCCTACATTTCAATGTTTCTCGTTCAGTTGTTGTGCCGGAATATTTCCACCCTCCCCAACGCAACCTCCCCGTG
TCGGACCCATCTCCATCGGCATGCGGATTGTTCAGTCCGAAGGCGTTCCTGCTCTGTTTTCCGGCGTCTCTGCA
ACTGTTCTCCGGCAAACCTCTTTACTCCACCACTCGAATGGGTCTTTACGACATCCTCAAGACTAAATGGTCCGA
TCCAGATTCCGGAAAGTATGCCTCTGACCCGAAAAATCACCGCGGGATTAATCGCCGGTGGGATTGGCGCGGC
GGTCGGGAACCCGGCCGACGTCGCAATGGTAAGAATGCAGGCCGATGGACGGCTTCCGGTGGCTCAGCGGC
GGAATTACGCAGGCGTGGTGGACGCGATCACGAGAATGTCGAAGCAGGAGGGTATTACTAGTCTGTGGCGT
GGGTCCGGCGCTTACGGTGAACCGGGCAATGATCGTGACGGCGGCGCAGTTGGCGTCGTACGATCAGATAAA
AGAGACGATATTGGAAAAGGGAGTGATGAAGGACGGACTGGGGACCCACGTGACGGCGAGTTTCGCGGCG
GGGTTTGATGTGGAACGGTGATGAGCCAAC

>trans_s_13319NM_001066235 | *Oryza sativa Japonica Group* Os07g0496200 (Os07g0496200)
mRNA, complete cds

CAAGGAAAACCATGGCGAGGATGTTGGGAAACAATGAAGCAGCATTTGAGGCTGCTCGTAGCCAATTTTGGG
TGGTAGATGCCCAGGGTTTGATCACAGAGGAACGAGAAAAATCTTGATCAAGATGCAAGTCCGTTTGCAAGGA
AGGTCAAAGAAATTAATCGTCAAGGGTTGAGGGAAGGTGCAAGTCTAGTGAAGTGGTGCAACAAGTGAAA
CCTGATGTGCTTTTGGGATTGTCTGGCCGTTGGTGGATTGTTACCAAGGAGGTATTAGAGGCTCTTAAAGGAT
CAACAGCTACAAGACCAGCTATTTTTGCCATGTCTAATCTACAACAAATGCCGAGTGCCTCCTGAAGAAGC
ATTCTCAATCTTGGGTGAAAGCGTCATATTGCGAGTGGAAGCCCATTCAAGGATGTTGATTTTGGAATGGT
CATATTGGCCACTGCAACCAAGGAAACAACATGTATCTTTCCAGGTATTGGGCTCGGTACACTTCTATCTGG
TTCTCCTATTGTATCTGATGGGATGCTGCAGGCTGCTGCTGAGTGCCTGGCTGCATATATGACTGAAGATGAA
GTTACGAAGGCATTATTTATCCATCAATTTCTAGCATCCGTGATATTACAAAGGAAATTGCAGCAGCTGTTAT
TATGGAAGCCATAGAAGAGGATCTTGTAGAAGGATACCGCGGCGTTGATGCTCGAGAACTCCGAAAAATTTAG
CAAGGAGGAAATTTTGAATTTGTGAAGAACAACATGTGGAGTCCAGAATACCCAACACTAGTTTACAATCAG
GACTGATTTGATCTAGCCGTGTAAGAACAAAAT

>trans_s_13320FJ424415 | *Peperomia dolabella* 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATTCTATTTACCGGCAAAACCCAAATCTCATAATCTGTTACCAGAAGAGATGGCTTCCGAAAACGTCCATATT
CTGTTCCACCGCAGATTACAATCTGACGAACTCCGCAAGATACGGCGGCTGGGATGATAATGGACTTGTAAGC
GATTCAGATCAGTTCCGTAATTTTTTAGTTTCCGTTGGCATCGATCATAAGAGACATTTGTTTCATATTTCTCTTT
GGGTTTTTATGTGCTCTGGCCACTTCCAGAGTTAAAGTTTCATCAATTGCTGTTTTTCCAGCTTCTGTTTTTGTTT
TTGCTGTTGGCTTTTCTCTTGATTGTTTCGTGGTGGAAGTATAGATGAGCTAAATTTACTTGGAATAAAAAAT
CGGGGGAAAGAGGAAATTTCTGGGTATCACGCTGAGAAATTAAGAAATTTGGAGAAGTTTTTACGGGTTT
GCTGTCAAACCTTGATAATTTGAAATGTAGCATACAGAACGCCATTGATTCTAGGGAAATTACACTTGGGGATT
TAGAAAGCTATGTCAAAGTCTTAGAATCGAGTGATTTTTCAACCTCCAATGCTTCGAAGGTTGTTGAGGCCTTG
ATTAATAATGGAGGCAACACCAAAGCTGTTATTCTTGAGAATCATAAACCAAGTAGGAAAATTAAGACCTAG
GAGATGTGGGGTTTGAGCTTTTGCAATCCTTTGGCAGTTTGCTTGGAGAAAAGTTGGTTGGTTCTAAGCCTAA
CAAAGTGAAAAACAATGTTAAGCCACAAATGGCAATCAATTCTGTTGCCAATCAAGCTAAAAGGACCTCAATA
CCGTCTGAAGTTGGTTCATAAAA

>trans_s_13321GU983667 | *Malus x domestica gigantea*-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

AGACATATAGGATTAGCTGTTGTGCACAAGTTCCATTGAGATCGGTGCTTGCTGAGAAACAAGCATTATGTT
TTTCTGTTATTTCTCTACTGTGATACAAGTTGATTTCCGCACCTGAAACTCAACCTAGTGTGGAGAGCACTTCAG

CCCAGCAAGGATGGAGGCAGGTAGTTGATGCATTATGCAACGTGGTATCAGCATCCCCAGCTAAAGCAGCAA
CAGCAATTGTTCTTCAGGCCGAGCGGGAGTTGAAACCATGGATTGCAAAAGATCATGATCAAGGTCAGAAGA
TGTGGAGAATCAACCAGCGGATCATCAAAATTGATAGTTGAGCTAATGAGAAATCATGAAACTCCAGAATCACT
AGTCATATTGGCGAGTGCCTCAGATCTTCTGTTGCGTGCAACAGATGGGATGCTTGTAGATGGAGAAGCATG
TACTTTGCCACAAGTAGAGCTATTAGAAGTGACTGCTAGAGCAGTTAAGCCTGTACTGGAGTGGGGAGAATCT
GGACTTTCCATTGCTGACGGCCTTTCCAACCTCTTAAAGTGTCGTCTACCAGCTACAGTTCGATGCCTTTCTCAT
CCAAGTGCACATGTTTCGAGCTCTTAGCACATCAGTTCTTCGTGATATTCTGCACACCAGTTCGATAAAGTCTAG
TTCAAATCGGTTAACATAAATGGCATCTATCCCTCTTATCAGTATTTAGTTTCANGTATCATTGATTGGAAAG
CAGATATTGAGAAGTGCTTGGGATGGGAAGTTCGTAGCCAACCTTGCAAGTGGACAATCAACTCAGTTTCTTCA
AGCTGCTGCCAAGGAAATAAGCTGCTC

>trans_s_13322NM_001056309 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0286500 (Os03g0286500)
mRNA, complete cds

CATGACGATGATGACCACCACCACCAACAGTAATACCAATGCAGGTTTGTTCGGGGATACCACTTTGACGAAA
GTCTTCGTTGGTGGGTTAGCTTGGGAAACACCAAAGGAAGCCACGAGAGATCACTTCCAGAAGTTCGGTGAA
ATTCTCGAAGCGGTTATAATCTCTGATAAACTCACCGGCAGATCCAAGGGATATGGATTGTTACATTCAAAG
ACGCGGAATCGGCGAAGAAAGCTTGTGAGGATTGGGCTCCGATCATCAATGGCCGTCGAGCTAACTGTAATC
TCGCTTCACTTGGAGCTCGGCGCGGCGGTTCTAGGTCGGCTCCGCTACTCCTCCTCAAGCTCCTCAACCAGGA
TCGAACGGTGGAGGACCGAGAACGACAACAGCAGCAACCGCACCGGGAAATCACGTGCAGTGGTATTACCC
GGCGGGGACTCATCAACGCCGTTTCATCATCAGCCTCATCAACCGGTCCCTTTTTATGGGTATACCTTAAGAT
CCCATTCTGTTGCGCACTCTAATTTCCCCATTTTGTTAATCGACGTTTAATCAAATTAATGTAAGTTTCA
TTTTCTTTTACATATTCCCAAGCCCCACATACATCGCAACCGATATCAGTTACAACCACGTAAGCCACCCCCCT
TTATTCCTTTATTTTATTTAAATAAATTAATAAGACATAAGTTAGTTAAAACGGCGACGTTTTTTGGTTTTAAAT
GCACAGAAATTGGGGTATGTGAACGGACATTACACACAAATGTATCCAGGGCAGGCGGCTATGGTAGGGGC
GAACACATTGATGGCCATGTACCCGCT

>trans_s_13323NM_001060267 | *Oryza sativa* Japonica Group Os04g0595200 (Os04g0595200)
mRNA, complete cds

CCGGCCGCTTTCTCCATCGTTTTTCTTCTCTCTCCGGCGAAAACATCAGCGACTTCGCCGTCTCCTCCTTCCGGC
GACAAAAATCTCAGAGCAACGAGGATAAAACCCAGACCACGTTATCTCCTGCAGCGTGAGCCAGCGAAACCA
ACGACCTCCGGCGACCTCGCAAATACCCTGCGTTCCTTTCGAAAAGTCAGGAAAGAAAATGGTCTCTGGGTTG
ATAAATGCAAATCCAGTTGTATACCAAAGAAAGAGCGGCGGGCTCGAAACGCTCCATGTGATAGTGATGAA
TATGCAGTGGAGCCCATTGATCAGTTGGAAATTTTGTATCATATTAGAGATATTAAAGATCCTGAGCACCTTA
CTCTTTAGAGGAGCTTAAAGTAATAACAGAAGATGCAGTTGAAGTAGATGATGGGCTTAGTTATGTGAGAGT
TACCTTTACTCCAAGTGTGAACATTGTAGTATGGCAACAATTATTGGTTTGTGCTTAAGAGTGAAACTTATGA
GGAGCCTCCCTTCTTGGTACAAGGTGGACATTAGGGTAGCTCCTGGATCCCATGCTACTGAAGCTGCAGTAAA
TAAACAACCTTAATGACAAAGAAAGAGTCGCAGCAGCACTAGAAAATCCAAATCTATTAGATATGGTTGATGAA
TGCTTGGCTCCATCTTATAGTTGATTAAGTTGGGATTGACAAATGCAGTTAAGATCAATAATCATCTGAAATCC
AATCTCACGGAAGCTTTTTGGTCTCTTTTATGAATATATGTATTATACGAGTTTAGAAATAAAATGTTCTGAAAA
ATTTCTGGATCATTTTCTCTGAATCA

>trans_s_13324AY110837 | *Zea mays* CL1882_7 mRNA sequence

CAGTCTTCTGTCATTGATCTTAGTAACTTTTTGCAACATACTGAAATCACTCTGCCAACTCTAAATGGATGGCTT
CTTGGCTATCCAATTGTATACCTTTTTGACAAGGACCACATATCTGAGGCTACTTACAATCTTCTGCTAAGCCT

CTTCACATCTTCAGATTATCAGTTAACAGGAGAGGCGGCTCCACCAAAGAATCTCAGCTAGAAGAGCTTCTAA
GTTTCTCAGTGCCTTATGAGCTTAGCATGAGAGGAGAGAAGGAGGCATGGGCAGAGGCATTTTTGGAAAGTA
TGCAACAAAAGTGGGAGAGATGCAGTCAAGTGTGGGGTTCGTTGAGGATGGACGTTACTGAATGTCATGCAC
AGGCCATTGTCTTGTAATTGCGATCCTGCCAATCAAGAAAAAGAAATGAAAGAATTGTAATCTGCACATAAA
CACTTGAATGAAACGGCATCCTGTCTAGACGCCCCGCTACTCCTAACTTCGTTTTTCATTTTCAGCATTGATTC
ACATCGATCAAGTTCTTAGCAAAATGGAGGTTTGAGCAGCTAGGGAACGTTGAGTGGCGGTATACTTCGAAG
CTTGAACATGTGAGATTGCTCATTGTTCATGGCAGAATGGTTTTTAAAAAATGCCCCACTGTGTATAAGTTAG
AGTGGAGTGAGACAATGGATCAATAAAGACTAGAGTTAGTATTTGTGTTTTCAAACATGCATTTTGTATCA
ATTATAAAGATATCATTGTAGTGACCAACTAAATATTATGCTGAAATTCAAATTAAGTAATAATTATTAATAAG
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13325XM_002869871|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata basic helix-loop-helix family
protein, mRNA

AGGGTTTTGTGAAAAGCTCTCAATAATGTGCAACCCTATCCGTTGTCAGCCAACCTCCACAAAGCGATCGAAAA
TTCGTAGAAAGGAATCGAAGGAAAGAAATGAAATCCCTTTCTCGACACTAAATTCTTCTTCCAAATCATAC
CTCAAGGGAAGCTCCAAGAACAGTGCCGGATCAACTGAAGATGCCACGAATTACATAAAAGAATTACAAAA
GAACATACAGAAATTGAAAGAGAAGAAAGAGGAGCTAATGGGAAAAAATAAAATGGAAGAAGATGAAGAA
GCAGAAGGAAGAAGAAGAAGAAGATTTGAACATGAAACAAAACCTAAATTATTGCTACAAGTTAAAGCTCAT
CAAATTGGTCTTTCAGTGGAAGTGTGTTTGACCACTGGATCAGACTATCACTTTATTCTTCAACAAGTCCTTCGA
CTTCTTCAAGATAATGGAGCCGAGATCCTCAATGTCAACCAGTCCATGTTTACAGATCGGGTTTTCCATAAGAT
AACGGCTCAGGTGGATGGAGAAGGAATAGGGCCAGGAGATGGTGAAAGGATTTGTAAGACAGTGAAGAAA
TTTGTTCACAGTACAAAGATGAGCAATGCAGTGTGATTACAATGGCAATGGCAATGGCAATGGCAATGGTG
GGGAAGATTTATGAAGCCATTTATTATTGTACTGTCTTTATGGATAATTAATGCTTGAAATCAAACCATCCCAT
TATTATTATATCATAATGTTCTTTGCATTATTATTGGTGAATTATATCCATATAATCCCAAATTGTTGTTTTCT
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13326NM_123380|Arabidopsis thaliana EMB506 (embryo defective 506); protein binding
(EMB506) mRNA, complete cds

AAAAAGAAAAAAGAAAACCGTAATCCAGCGCTCTTCCGGTATCAATATCTTATTGGGAAGGAAGATGCTAC
TTGGCGCTACTCGACTTTGGGTTTTCGATTATTCTGTATAAGCGCCAAAATTTATTCTTGTTAGTTGGAGATTT
TTCAAAGACTTCAACTTTCATCTCTCTCCCTGATTTAGTTGATACCATATAAAAGAAAGGGATAATGTCGTGG
GCTATGTCAACTTTTGCTCCCTTTGAAGTTCCTCCTGTTTATGTTGTTGCTACTGCTTCTAGTCCATTGTTGGGT
GCACCATCAACTGCTTAGATATAGTTGGTCCTAGAAGACCAAAGCTCCAGTTATCTCTTTCAAAGAAGTGGTTA
AGGATGAGAACTTTTGTACAGAGTCAAACCAAGTGTCTTTTTTGAATCACGTCAAGAACTTGGAAGAT
CCTGATGATGGAAGCGGCAGTGAGTTTGATGAGGAAGATAGTGAGGAAGTGGATGAGTATGACCTGGATTT
TGAAAGTGATTGGGAAGGAGAAGAAAATGTTTCAGGCTGTCTCGATTATTGATCAGCCTGCTGCAACAAGTA
TGAGGAGGATCTTCAGGAAGAGGTTGAACAACCTTTGGAACCCAAAGAACGAGCAATTCTGCAACAGAATGC
AACTCTGAATGTGGATAAACTGTCAACTCCGAAATGGAATCCACTTCACACTTTCGCCTTATCAGGACAGATTA
TTCCAATGGACAACTACTTGACAGTGGATTGACATTGACTCCGTCGACAAGGATGGTTTTTCTGCTCCACAT
AAAGCAATCGCGAAGGAGGAGGAGT

>trans_s_13327AB365529|Populus alba rps16-1 mRNA for 30S ribosomal protein S16, complete cds

AGGCGCCAGTTTCTGTTCTGTAATCTATCGTCATTTAGTTTGGCGAATTTTCAAGATTTTGTAGGGTTTTACG
AGCTCGAAAATGGTGGTTTCAATTCGATTGTCCAGATTTGGTTGTAAGAACAAGCCGTTTTACAGGGTCATGG

CTGCCGATAGCCGATCTCCTCGTGACGGCAAACATCTTGAGATTCTAGGTTACTATAATCCCTTACCAGGTCAG
GATGGTGGAAAACGAATGGGTATTAATTTTGAGAGAGTGAAGTATTGGCTTTCAGTTGGTGCTCAGCCTTCG
GACCCCATGCAGCGTATTCTTTTCGAGCAGGGTACTTCCACCACCCCAATGGTTGCAATGGGACGTAAAG
GCGGACCACGTGATACTCGTCCTGTTGATCCTTTGAGTGGGCGCTTCGTCACTCCAGAGAAAAAGCCAACCTGA
TAGTTCCAATGGTGAAGTTGGTGATGCCGATTCATAGTTTCTTTCAGAAGAATCTCGGGCTCTGGAATTATCA
TTCAAATGTGATTTCCAACCTCATCCTGTTGTTGAGGTAAAATAGTTCAATAAATCGGTCCATTTACTTTTGATTA
CAAGATGCAGTTTTTGATGGGGAATTAGAAAAAGCAAAGTAGTTTTCAGTTTATTCTGGGACATTAATAATGGAG
TCTGTAGATATTATCAACGTCCAATCCTCCAGTACCAAGGCATAGTAGGGTTGTTGGACTGAGCTTATTTACC
GAAGACTAGCCATTACGTTGAGAAAACATGACCTTGTTGTCTAATTTAAACATGATTAGATCTCTGTTTTGTTCT
TTCTTTGTTATGTTATTTTGA

>trans_s_13328EU603313|Populus trichocarpa isolate HCT1 quinate O-
hydroxycinnamoyltransferase/shikimate O-hydroxycinnamoyltransferase mRNA, complete cds

AGGGCGATTTTCATTTCTCCCTAAACTCATTGTCAATTTATCTCCATTTTTTTCCCTTCTTTCTCTCTCAATCG
ATCGAGATGATCATCACCGTCAAGGATTCGACTATGGTGACTCCGGCGGAGGAGACGCCGCATCGGAGTCTC
TGGAATTCCAACGTCGACCTCGTGGTCCGAGTATGCATACCCGAGCGTCTACTTCTACCGACCTACCGGCGC
TTCTAATTTCTTCGACGTCGAAGTTCTCAAGGAAGGTCTAAGCAAGGCGCTGGTCCGTTTTATCCAATGGCTG
GACGGTTGAGACGCGATGAAGACGGTCAATCGAGATCTATTGTAATGCAGAAGGTGTGCTTCTTGTTGAGG
CTGAGACCACGGCGGTTATTGACGATTTTGGTGATTTTGACCGACGTTGCAGCTTCGGCAGCTTATCCGGC
CGTCGATTACTCCGGTGGAATTGAATCGTATCCTTTGCTGGTGTGACGGTGACGTACTTCAAATGCGGGGGT
GTTTCGCTCGGCGTTGGAATGCAACATCATGTGGCAGACGGATTCTCCGGTCTTCACTTCGTCAACACGTGGT
CCGACATGTCGCGTGGCCTCGACCTCAAGCTACAACCTTACATCGACCGGAGCCTCCTCCGCGCACGCGACCC
ACCTCAACCGGCTTTTCGACATATCGAATACCAACCAGCACCAGCCATGAAAAACCCGGTCCAAGCCGACCCG
GAAGGAACCACGCTCTCATATTCAAATTCACCCGGAACAGCTTAATCTACTCAAAGCCAAATCCAAAGAAA
ACGGCAACACCATCAACTACAGCTC

>trans_s_13329NM_114701|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family
protein (AT3G48420) mRNA, complete cds

GAATTCACAAAACCAAACCGGAACAAGAAGAAGGAGACTGGATTCCAATGGCGTCCACAACACTCTCCCTCT
CCTCGCCCTCGATTTCCGGTTCTACAACGCCTTGCTTCCCATACTGCCACCACCGTCGCTTATTTCAAACCCC
ATAACAGAAGTTTCTCTACTTCTCTTGGGCAAGAGCCTAAGTTTGTATCGAACATCGAGAATCCGGCCAATA
GACGCTAAGAATGCTCCTAATGGGATCACTTGTCAGGCTTCTTCTGTTCTTCCGTCTGCTCTTCTTTGATTGC
GATGGGGTTCTTGTGATACTGAAAAGGATGGCCATCGGATTTCTTCAATGAGACTTTTGAAGAGAAAGAAT
TGGGCGTTACTTGGGATGTAGACTTGATGGCGAGTTACTCAAATTTGGTGGTGAAAAGAAAGGATGACAG
CGTACTTCAATAAAGTTGGATGGCCAGAAAAGGCTCCAAAAGATGAAGATGAAAGAAAGGCATTCAATTGCTG
GACTTCACAAACGAAAGACAGATTTGTTTCATGGCTCTTATTGAGAAGCAATTACTACCGCTTCGACCTGGCGTT
GCAAAGCTAATTGATCAGGCATTAGCAAAAGGAGTGAAAGTTGCTGTTGTAGCACTTCTAACGAGAAGGCG
GTTTCTGCAATAGTATCGTTTCTACTGGGATCTCAACGAACTGAGCAAATGAAGATATTTGCAGGAGATGTAG
TGCCTCGAAAAGAGCCTGATCCAGCTATCTATTTTAGCAGCGAACACCCTTGGTGTGATCCTTCCAGTTGT
GTTGTGTGTTCTTCACTGTAACGGT

>trans_s_13330XM_002308127|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS30),
mRNA

GTCAGAAATGGCCCGACACTTGCCCTTCTGACTCTTAAATACCCTAAAATATTCCCAATCCGTGTTTCATATTTCA
CCAAAGTTTCCACCGATTCTTTCTGGGTCTTTCAATTTCTCATCTTCTCTCCAAACCTTTCAATTTTATGGATAAT
CTCCTCGACGATTTTCCCAATTCTTGAATAATACTTATCCCTTCCATCCCCATCTTTCTACTTCTCTGTTTCAGAG
TCACTCGTGATGTCGTTGATCCCCCTTCAGATTCCGGCCAAATCACATCAACATCAACATCAACACCGCCAACTT
ACTAACAATTCTCCTCTCTCCCCCTCCTCTCCAGCTCCGAAGGAGATTCTCCCGATAGTCATGACACCTCTAAC
ACCATGCTCAAATACATCACCGAGATGTTGATGGATGAAGGTGAAGATCTCAAAACACAGCCCTGTATGCTTC
TTGACTGTTTGGCTCTTCAAGCTGCTGAGAAATCTTTTATGATGTTCTTGGTCAGAAAGTATCCCCCTTCTCCAA
TCGGTGATTCTTCTTGCTGTGATAGAGGTTTAGGACGCGAAGATGAATCTGAGTCTTTAATGGCCAGTTGATT
TTTCTTGGGTTGCTGCCGAGAACGATGGTAGATCCAGCCTTGAAAATGGGTTGTTAAGAGAAAAGAAAAACC
GTTTGAGGGGAAGATAGTGATGAGGAGTTGAGAAGTAGTAAACAATCTGCTAATTTTGTCTGATGATAATCACT
GTCTGACTTGTGATGAGGTTCTTCTTGTCTGGCGAGAGTCGGCAGTCTCCCCCGTCGTGTGGTGTGGAT
GAATCATCGAGAAGA

>trans_s_13331XM_002864405|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

TTTATAACGTTGAATTCTCTCTCTCTCGTGCGCCACGGCTTCTCTTATTCAATTCAATTCGCCGTTTCCTTGTCTG
GACCGACCGCACAGATTCTTGAATTCTCAACATACGCTTCGGTTTTCAAAAAACAGAATACCGGAAGGCTG
CGTGTGATCATCCCACTACTACAATAACAATTCGTAGAGGAGACGATGGACGAGTTAATTGCAACCAGATATCG
GTGTCACATGTGTTCTCAAATGGTGAATCCCATCGTTGACGTGGAAATTAATGCCCTTCTGCCGAGCGGGCT
TTGTTGAGGAGATAGGAAACGGTATTTCCAGCGACAATAACGATAACAACAACAATAACAATAAACAATG
AGCTCGAATCCGATTTTGGGTCGGAGCGAGCTTTGTCTCTCTGGGCTCCGATCTTGCTGGGTATGATGGGAAA
TCCCCGTGGGCGACGAAGATTGAGACATCTAGAGTTTGACGACGACGATGATGATAATGAGCATGAGGATGG
AGAGGGGAATCATGTGAGTAGTGAGACGACTGAGCTTGATTGAGTCATTAGGAGGAGGAGAAGTTCAGCTA
CCATTCTTCAGTTGCTCCAAGGTATCAGGGCTGGAATCGCAACTGCTGAATCAGAGAATAGTTATGAGGGAGA
GAGGAGCAGAGAAAGAGAGAGGGTTATTCTTATAAATCCTTTCAATCAGACCATTGTAGTTCAAGGAGGTGA
GAATCAAAATCAAACCATAACTCCATTGGGTGCTGGGTGATTATTTCTAGGACCTGGTTTGGATTGTAT
TGCAACATATAGCCGAGAATGATCCCAAC

>trans_s_13332AL161575|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 71

TCGGTAATGCAGGTGCCCCATCAGTCATTGGGAGTTGTATTTCAAGCAGTGCAAAAGGGAAGAGGAGTGAAA
GGGATAGAGATGGTAAAGGGCATAACAGAGAGGTGTCATCTAGAAATGGAATAAAATTGGTAGGCCAGGA
TTATCAAATACTAAAGGGGAAAGAAAACTAAGACAAAGCCTAAGCACAAAAGTCCAGTTATCAATTTCTG
TTAATGGCCTTCTAGGCAAGATGACAGAGCAGCCAAAATCGACATTGTCTCCTCTACCAAAATCAAGTACTTCA
AATGTTGGTTCAAAAGAAAAAGATCAATTTGGCTTGGATGGACTTGATGACCCCGACTCAATAGATTTATCTA
ATCTTCAATTACCAGGAATGGATGTATTAGGTGTTCTGATGATCTTGATGGCCAGGGTCAGGATCTGGGTTC
ATGGTTAAATATTGATGAGGATGGTTTACAAGATCAAGACTTCATGGGCCTTGAGATTCCAATGGATGACCTC
TCAGATTTAAATATGATGGTTTGAAGTTTGTCTCCTTGTATAGTCTTCAAGTCTTGTTTATTAATACTTTACAAA
CTAAAGGGAAATCCTACGTAAAGAGTGACTGGTAGTTGCATAGTTATTGGCTACCGATCCAAATTAGGTTACT
AGATTCTTTGAGACTCCTCTTCAAGTTATTTCAAGTAAATCTTTGGATGTTTGAATTTTGTCTCTGTATTTAGT
TGGTGACTTTGACTGTAAAGATAGTCTTGTCAAGCTACAAGTTAGTATAGTCATAGTGATATTTAGGGTACAC
AGTATCCTTCATGTAGCTTTTGA

>trans_s_13333AY428735|Viscum album rRNA methylase-like protein mRNA, complete cds

ACCACTGTCTGAACCATTTGAATCTCTTTGACCAACATCCATGGCGTCCTGCCGAATCGTATCCCGTTCTTCTCT
TACTCTGCTCCAAAGCTTCAGTCCCCGAAGAACTCAACGGGTTTTCCCTTCTGTTTTTCTCCCCTCTCTACACCTT

CCCTCCTCTCCATTCTTCACTAACACACTCTCAAGAAGCAACCCTAATGCAGTTTCTTCAAGATGTTTCGCTTCA
ATTTCCGCCGCTACATCTCCACTAGAACTAGCAGATATTGTGGCTGACGTAGAACCACCGGAGGTTCTACAC
AAGACACGGTGGAGCACCTGCTCACGCATTCCGATGACGTTTCTAGGTTGATGAAGATGGAGCGGAGGCCGG
TTGAGTTAGATGGAGCTGAATATCCACATAAAGGGCGGTGGTTTCCGTACCTGGATAAGTATAGCTTTGGAAG
TTCTTGTTGAATAGTGGTGAGATTTTGGAGGCCTTGGATTCTCTCATATTGGACACGAGGAAAGAGCGGTTT
AAGAACGTGGTGCGGAATAGAAGCTACTCCGTTTGTGGTGGTGGAGGGATTGAGCGATTTTGGTAATGTC
TCGGCCCGCTTTCCATCTGCTGATGCGCTTGGATTTAGTCGGTCCATGTGGTCTCTTGCACGCTTCCAAAAG
GTGCAACAACCATGGAGGTACAGAGAGAATCGTCATGTTAGCATGGGAGCAGAGAAATGGTTGGACATTGA
ACTTTGGAACCTACCTCAGAATGTTTTAAATTCTAAATCCCGGGGTTATAGAATAGTCTCTACACATCTAG
GAGCGAATGCGGTTTCTGTCTATG

>trans_s_13334AF520577|Cucumis melo 17 kDa phloem lectin (Lec17) gene, complete cds

GATCTCATCTCCATACTTGTAAACCAATCAAGGATCTTTATACAACATTTTCCATTCTCATCTTTATTTCTATATC
TCTATCTCCTTCATCCAAATACTATTTAATGGCAGGCCAAAGCACACACTATGTGGCATATCCAAGAGCTGCC
TCAATAACATGGAGTGATGACACTCGATACTGGAGTTGGGCCCTGTGGATTTTTCGGCTACCCAATTGAAG
AAGCCCGACTTTTGCAAGTATCTTGGCTCGATTGTCGTTGGACCATGGATTCATCTAGTTTCAAACAAGATGTT
TGGTACAATGCAAGCGTTGATGTAATGATGACAAACACCGCTCTGGATGGAATATTCCACTGAACATTGAAA
TCGATATGCCAGATGGGAGTAAGCAAGAGTCTCAAATAGTATTGGCGGGCAAACAACCAATGTGTGGTTCA
AGATTCCATTAGGTAAATTCATAATAAGTAGTTCTGTGACTAGTGGGATAATTCGATTTGGCTTCTACAACCAT
GGAGGGCATTGGAAAAGAGGGTTAATCGTGAGAGCCCTTCTCATCCAAGCATAAAGATGAGTTTGAAATGAT
ATGTTTCAAAAGTAATAGCATAAAACACTAAATAAAGACCTTTTGTCTACTTGCAAAAACCTTTAAGTTTAA
ATGGGTTCTATTTAGCTATGGTAAATGCTAAATATAATGTAACACAACATAAAAAATAAATAAATATGACAT
TTTGATAGTAGCATTAAAGTCAGTTTAAAACTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13335AF023679|Bryobrittonia longipes 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGGGCTATACGGACTCGAACCGTGCGGCCGCGCGCA
CATTTGCTCCACGAGATGGTTTCCATGAGCGCTCGCTCTAGTTAGCAGGCTGAGGTCTCGTTCGTTAACGGAA
TTAACAGACAAATCGCTCCACCACTAAGAACGGCCATGCACCACCACCCATAGAATCACATATACATTTAGC
CCTGT

>trans_s_13336NM_001071007|Oryza sativa Japonica Group Os10g0376200 (Os10g0376200)
mRNA, complete cds

GAAGCGTTCTTCAAGCCAGATTCTTCCTTCAAGAAGTAGAAGGTTGTGGTGGAAATTGTTCTGTGGAGCCAT
AGAAACCTGCAAAAGCCGTGGACTATCAAGGCTACTCCACCAACTCTGCTTTCACCAAGCAAGGTGGGTATT
GCTCTGTGTTGTGTTTATCCCTGTTTCGTTTT

>trans_s_13337AB180273|Solanum lycopersicum LeODD mRNA for 2-oxoglutarate-dependent
dioxxygenase, complete cds

TAAGCGTAATGAAAGAGATGATGAACGGAATCCGGCGGTTTACGAGCAAGGAGACGAAATGAAGAAGGAT
CTGTACTCGAGAGATTTTCAGAGGAAGATACTTTTCAATACGAATTTTCGATTTGTTCAAAGGGGTGTCGACAG
GCCAAGAAAGTGTAACAGTTTGTGTTGTGTGTT

>trans_s_13338AF313560|Osmunda cinnamomea 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGGCGGGCGGTGGCGTTAAATCTCCTAGACTCACACCCGTGGAATGAGTACAATCTAAATCCCTTAACGAGG
ATCAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTG
CAGTAAAAAGCTCGTAGTTGGACCTTTGTTGG

>trans_s_13339Novel Gene

ACTCACTATCAAAATGAAAGACAATCGATTATCTACCCAAGAAGATAGAGAGTCCCACATACAAAAAAGGTC
ACAAATAGAGTTAAACCAAGTAAGATTGCAAAGGCATAATGATAAACAAATCCACTTTGAAGTTGACTTATTC
GCTCGGCCAATCGTCGGAATGTGTACGAGATA

>trans_s_13340EU308524|*Lychnis flos-jovis* isolate 03058 ribosomal protein L20 (rpl20) gene,
complete cds; ribosomal protein S12 (rps12) gene, exon 1 and partial cds; ATP-dependent protease
proteolytic subunit (clpP) gene, complete cds; and PSII 47kDa protein (psbB) gene, partial cds;
chloroplast

CCACTGATTTTTACGGATGCGGGGTATATCTCAGTATGGAGAATGATACCAAAGATCTGTATTTATTTATAAAC
TCTCCCGGTGGAGGGGTAATAAGCGGATTAGGTATTTATGATACTATGCATAAACACGTTGGTGTACATGTCA
CAGTATGCATGGGATTAGCGCGAAGTATGGG

>trans_s_13341HM640774|*Gladiolus illyricus* voucher Chase 9907(K) 18S ribosomal RNA gene,
partial sequence

GCGACAGGCCCGGGTAATCTTTTCTTATTTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGA
GGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAC
AAGCAATCGTGAATGGTCCAACAGTCACCC

>trans_s_13342CP001329|*Micromonas* sp. RCC299 chromosome 9, complete sequence

CGGCGGCGGCGGAGGATGGTGTGAAAGTTTCGAGGAGAATTATGATCGTAAAGCCACCTGGGGGTTACCAG
TATGGTTCTTACCGCCGGTGTCTCCTGCCGCTCTTCCACTCCGCCGTCTTCTCCTTTTCCGGTAGAGAATCA
TTCAGATTTTGAAGAAGATCGACGCTCACAAG

>trans_s_13343EF207455|*Rhodoleia championii* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CGTGCCGGCCGGGGGACGGACTGGGAACGGAGAAAAACCCCGGGGGGGGGACCGCATTCCAGAATGAAA
GACAATTCGAATTAGCTTTGTCTACGAACAAGGAAGCTATAAGTAATGCAACTATGAATCTCATGGAGAGTT
CGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGCT

>trans_s_13344DQ414783|*Citrus sinensis* retrotransposon Tcc20, partial sequence

TTGATTTCTGTTGAATTATTTAGTATCATTTTGTATTTAACAACAACAAGAATCGAATCACGCTCTATAGGATT
TGAACCTACGACGCTAAACCCCAAGAGTTTATACCTCGTTAGGTCAGACTAAGAGCGTTTTATTATCAAACCTAA
AAGCAACCCGAATATATCTTCGATACAGC

>trans_s_13345AF389249|*Euptelea polyandra* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCGGGGGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACC
CGATTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTGTCATATAATGAGTCAAAACCTTTTGTCTCTTAGGATCGACTAACCCAT
GTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCC

>trans_s_13346EF551167|Glycine max dehydration-responsive element binding protein 7 mRNA, complete cds

CAACTTCACTCCTAGCCCAGATAATTTTAATTAACCCACTTCCAAAGAAGATGGATTCTTTTCAAATTTTATG
AAGAGTATTTCTCCAGTTCCGAGAGTAGTAACTGCCGTCGCCCCATTTTCTCCGATGAGGATTTTATGTTGGCG
GCGAGTAATCCCAGAGGAGAAATTAATGA

>trans_s_13347AY628140|Gossypium hirsutum cultivar Acala SJ2 trehalose 6-phosphate synthase gene, complete cds

CGCAGAAACATAGGCTTGCCAAAGCTGCCGATCAAAGCGATCACCATGCTCTGGGCACATGGGTAGCATGTA
ATGGAATAAGGGCCATAACTGCTGTTTGCAAAACCCAATATAAAAGTTCTTCTGGAGATCATGAGGAAGAAAT
GTAGGTACACAGTTAAAATTGTGCAACAGTTTC

>trans_s_13348AY787206|Lycopersicon chilense GDP dissociation inhibitor 1 mRNA, complete cds

CTCCTGATGCCCCGAAGGAGGATGATAGCATGAAAGTCGATGATTGCGAGGCTCCTTCAGGTTGCATGGATG
GTTTTGTTGCGTTTGAAAGGTCTTTGGGTGCTGTTGGTTTGCCAGAAAGTTTCTGAAGCCTGGATTAGAGTTA
ATAGGGCAATCCGAGAGAACAGTGCTGGAGAG

>trans_s_13349NM_117285|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein (AT4G12150) mRNA, complete cds

AACCAGGCGAAAAACAGGAGTTGGGCCTCGCTTTCTGAACATTGATTTTGTATCTAGCTTTACATTCAATGAAG
TTCGATCCCATTTGTGAGGCCCTAGACGAACGTTCTCCTCGCTATCCAGAGTTTCATTTAACATGATCCATTTGGA
CGTCGGAGAACTACATTCTCTTTATTGCT

>trans_s_13350EU044740|Geranium gardneri voucher AK 285253 external transcribed spacer and 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAGAGTGTTACCGGCTGTATCTCGATCTCAAGGCAGTAGATCATCCA
CCAGACTTTGGTTCTTGTCTCCTTAGAACTCAAGGACACAGATGTACAACCTATAGAACAGATCCTACTAGACG
ACTCACAGGGTCCCTTGGGGTCTCCACTG

>trans_s_13351HM122456|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH2) mRNA, complete cds

TAACTCCCTTGCAGTCCCAATCGAACATCGGATTTGATGAATAAGGTCAAATTCTGTTCAATTTCAACAATCT
CGAGACGAGTTCTTGGATTTGCGGAACCTACCGCCGCCGCATCCGCTGCAGACGAAGGGGAAAACGACCCGTC
GTCTCGTGAAGCTCTGTCTGGTAGCTGTTG

>trans_s_13352NM_001071629|Oryza sativa Japonica Group Os10g0521900 (Os10g0521900) mRNA, partial cds

TCTTACCCTCATAGTCATCATTGTTATTAAGTTAGCAGTTGGAATTCTACCTCACGTTGACAACTTCGCCACA
TTGGAGGATTCTTAACAGGGTTCCTTCTCGGGTTTGTATTGCTGTCCGTCCACAGTTCAAGTGGACCGAGCGC
CACCATCTCCCACCCGGTGCTCACATGT

>trans_s_13353AF030382|Cucumis melo ADP-glucose pyrophosphorylase small subunit (msf1) mRNA, complete cds

GAGAGATTTATTCAAGCACACAGGGAGACTGATGCAGATATCACTGTAGCTGCTCTACCAATGGATGAAAAG
CGTGCAACTGCATTTGGTTTGATGAAGATTGATGAAGAGGGACGCATAATTGAGTTTGCAGAGAAACCGAAA
GGAGAGCAATTGAAAGCGATGAAGGTTGATACT

>trans_s_13354AY907105|Liparis terrestris voucher Singapore B. G. cult. 3482 internal transcribed
spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed
spacer 2, partial sequence

GGCGAACCACCGAGTCTTTGAACGCAAGTTGCGCCCGGAGCCTTCTCCCGTTGACCCAGAGACCGATCTGGTA
AATTTTCTTCTAATTCCGTTGAATTCGTCTCTTGTTTTCTGTTTTCGATCTCGAGAATACCGGAGG
AATAGGATGATGAT

>trans_s_13355XM_002889631|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SIT4 phosphatase-associated family
protein, mRNA

TTTGTGGATCCAAAGAGATCTTCGGCGTATTCTCCTTTGTTTCACTCTTCCGAAGTCAACATATGTATGAATG
TCCAGTTCTGTTGATCCAGAGACTGTTGGTGCAATGCTCCCTAACTTGGTGATTTGTTGAACTTTTAACTT
GTCATCACTACAT

>trans_s_13356NM_001187762|Oryza sativa Japonica Group Os06g0245800 (Os06g0245800)
mRNA, complete cds

AGAACTAGCAAATGTGACATATGACACTGCTGATAATCAATCAAAAACAAACCTTAAGATCATTGGAGACCAT
ATGCGTGCAGTTGTGTACCTGATATCCGATGGAGTTGTCCCATCCAACATTGGCAGAGGATATGTTGTCCGCA
GGCTGATCCAGCACAGA

>trans_s_13357XM_002320745|Populus trichocarpa potassium efflux antiporter, mRNA

AGCATGATGTCCGGAGTTTATTGCCTGTTGAAAGTGAGACAGATGATTTACAAGATCATATCATTATTTGTGG
ATTTGGACGAGTTGGTCAGATAATAGCCCAGCTTCTGTGAGAGCGACTGATCCCTTTGTTGCCCTTGATGTGA
GGAGTGATAGAGTGCC

>trans_s_13358AB449366|Nicotiana tabacum glp mRNA for germin like protein, complete cds

GCAGACGACTTTGTATACACAGGTTTACGTGCTGCTGGAAACATATCGAGTCTAATCAAAGCTGCAGTCACTC
CAGCATTTGTAGAGCAGTATCCAGGAGTGAATGGCCTCGGTCTCTCTGCTGCTCGGTTAGACTTGGCACCCGT
GTGTGTTAGCAACTCTT

>trans_s_13359U08108|Glycine max Essex desiccation protectant protein Lea14 homolog mRNA,
complete cds

GAATGGAGTGACTGTAAGGATTGGAGACTCTCTGTATGGCCAAATACTCGACGGAACCAAAGCTTATACCCTT
CAAATCGACGTTTGTGACGGAGGCCTCTGGCTTCGGCATGTTGGCCACCTTCTCTGAGACGTAGTCCATTGCCT
TGTCACCAAATTCGC

>trans_s_13360BT023725|Arabidopsis thaliana At3g46700 mRNA, complete cds

CTCGCTGTCAACGATAATTGCAAGGCTAGCTTGAAGGAAGCCATGGCCACTGTCCTTAGAGACGTCGTGTGTG
TAATACACGATGAGATCATGCACTTTTGTGGAGAGGTGGCTAGCGGTTTTGGGGTTCGGAGTTTGGTGCTTCG
AACAAACAGCATATCGACGTGTATTGCTCGGTGGTCTGTTTGAACCTTCATGCGGAGGGTGCAGTTCTCTAC

TCGATCTCACCATTCTTCAGCTGTTATTTGGAACACAATCCCATTTCTTGAACCATCTGAATTAACCCAAATCA
AAACCAAAATATACAACCAAATCCCTATTTTTGCAATTGGTCCAATCCACAAGATTTACCAACCTCATCCTCTT
CAAGTTTGCTCAATGAAGACTCCGCTTGCCTCTCATGGCTTCATAAAAAACCTTCCAACCTCAGTCATCTATGTTA
GCTTGGGCAGTGTTGCCCGCTTAACAAACCATGAACTCCAAGAGATGGCTTGGGGGTTGGTTAATAGCAATCA
ACCATTCTGTGGGTCGTTGCCCCGCTTAAACAAACCATGAACTCCAAGAGATGGCTTGGGGGTTGGTTAATAGCAATCA
CAAAAGAAGGCTGGAGATAGAGGGTGTATTGTGGAATGGGCTCCACAAAAGGAAGTGTGGCTCATAGCGC
CATAGGTGGATTTTTGAGCCATTGCGGTTGGAATTCTACTCTTGAGAGTTTGAGTGAGGGTGTTCGAATGTTAT
GTAGGCCTTATTCAGGAGATCAAAGAGGAAATTCAAGGTATATCAGTTGTGTTTGGAGAGTGGGATTGACTTT
GGAAGGTCATGAGTTGAATAGAAATGAATTGGAAAAGGGTATTAATAAATTGATGGTGGAGAAGAAGGGA
AGAAAATGAGAGAAAAGCAGTGGATTTCAAGAGAAAAATTGAAGATTGTTTAAGGGAAAAATGGATCATGTG
CTCGTAACTTGAAGGAGCTTGTGATTTTATTACGTCTTTTAGATCAACCTCTCTCCTCGATGAACATCTATTCT
AACCAAATATTGTTTATAACGGCTATTAATAGCTTCAAATGCAAGTATTATTTTGAACAAAGGCATGGAATTC
CATAAAGTGCAACTCCATGGCTTAACATAAGAGGTTAGTGACCTAAAGGAAGGACCTCAGTGGAAGGTTCC
TTTGTTACAGAACCCACGTCCTCAAACCTTTGATTGCGAATGGAATCTATATATTTCTCCATGAACGAAGACAA
ATTAGATAGAGAATTTATGATATGAAAATAAGTCGGAATGACAAGACTTGAAGCATTATTAGATGTTTACTTC
CAAGCTAATTAAGTTTTCTAGCACTCTTCACCATAGCTTTGTCACTGTCATTTATTTCTTATAACAGTTCTCTCT
TAATTATTTGAGAAGATTAGTCCTTAAGATTAAGGATGACTTTGTAATGTAGTTCTTTATTTATTTTCGAGCTC
TTTCGAATCACTCATATTTCTCCCCGAAAGATATTAACAAAAACATTTTCACGTGTCACTTGATNAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13361EU368699 | *Oryza sativa* Indica Group SKIP interacting protein 9 (SIP9) mRNA,
complete cds

ATACATCGGCTCACGGTAGAACGGCTTTGAGAGGTATATGCTTCGATCCTCCGATCTTCAATGGTGAAAAGCT
TACAGGGCGGAGGGCAAACCTCCCTGCTGACGTGACGCAGGTCATTGATCAGTTGGAGCGCCACTGCTTGG
CTCCCGATGGATCTCTCGTCTCAAACCTGCCACTACGATCTACAGCTCGTACTCCATTTACTTCTCTTCTCTC
TTTCTTCCACTCGATTTCTTTGCTTTATCGATCGCTGGGGAAATGTAGGTGGAATTGAGCGTTATGTTTGATT
TTGTTGCGGAGTGCTTTGTAAATTGACCGTATTGTGTAATGGACTGAAGCTCTGAATTTCACTAATTATTTGA
AATTTGCAGGCCAGAGAAGAAATGTCGAGGGAAAGGTTGCGTTATTTGGAAGCCATGGCAATCTATTGTGAA
GCAATTGCAATGGTGGAAGAGTACCAGCAGGCTGTTTCAATGGCGAACCTTGGAGGAGTTGAGATGTTTCAG
GCGCTTTATCCACAGCTAGGCTTGAAGAATTCGCTCAGGTTTATGAGACTCTTGAACACCGAATGGTAGTGG
CAGAAGCATCTCAAAGATTGAGGCTTCTCTTATATCAAAGGACGGTGAAATCCATGAGGAAGAGATCGAGA
AGCTATCTCGAAGTTCCCTTGATAGTACAAGCACTAGTGTTACAATAAGCTCAAGCACTAATTCAACAAATTAT
GCAAGTGCTAGCAGTACTGGAAGCATTGTGAACAATAGTCTTTCAGTAAGCTCAACTGATACTGCAGAACCTG
GAGTAGGTGGTGTCCCAATCGCTTTCTTGAATTACACCTGCATTTTATGGCAAACACAGCTCCATCAAACG
CCTTCCACGGATATGGCCGAATATCAAATTGCTCTTCTCGTGAGATAGATTCTCGTCTGAAGACTAAATGTGA
TAAAGTAGCTGATGCTTTTATTGTGGATGATATTGAGTCATCATCTGGGCATCATAGCTCTAGTGCTCGGCTTC
CAGAGAGGGTTAAGTTGATCATCGAGGAAATTGAAAGGGGAAGAAGCAGCTTACGGCAAGAGCTTTACTCG
GCAGACAGAAAGTTGCTGAATATTACAATGTCCTTGAGCAGATATTGGGAGTACTAATAAAGCTTGTTAAAG
ATTTGAAGTTGCAGCATCAACATAAATATGACGATCTCCAGAAAACATGGCTGTGCAAAGGTGTGAGACCAT
GAATGCAAACTGAGTGTATTAGAGCACGTTCTCTTGCTAGAACTTACACTCAGGAATCTATACCAGCCCTTC
ATAAAATAAGAAAATATCTTGTGAAGCTACGGAGGAAGCTTCTATTTCTTACAACAAAGCAGTTACTCGTCTC
CGTGAGTATCAAGGTGTAGACCCTCATTTGACAATATTGCAAGGCAGTACCACGATATTGTGATGAACTTG
AGAATATGCAATGGACAATACATCAAGTTGAGATGGACTTGAAACGCTTGCCAGATCAATCAAGTACCTGAAA

CATATTACATAGAATTTTGATTCTTTTTGTTTGATTGCTTCTTTTTGTTGTATTATGAATTATGATTTTGCTTGA
AGGTAATTTT

>trans_s_13362AF209572|Cucumis sativus ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds;
chloroplast gene for chloroplast product

TCATCGTATCTCTAATCTCGGAATGGTAATCTCTGATGGTGTTCCTCCAGTCCCTACTTCTGCTACGAAAAAAG
GTTGTGATAAGAAACGCTCAATTACCTATGCTCGTGCTACGGTTAAGCGATCCTCTTCGGATAATTCGTCCAAC
CCAAGGATAGCTATAATGTCCTGCAGTTCTTTGTAACTGTTGAAGGTTTGTAACTCTTTCGCGCAGTTTCATAA
TGTTCTTCACCAACGATTCTCGGTTGTAGCATAGTTGAGGTTGAATCTAAAGGATCTACTGCTGGATAGATACC
TTTGGCAGCTAATCCTCTTGATAGTACGGTAGTAGCATCCAAATGTGCAAATGTGGTGGCAGGAGCAGGATC
GGTCAAATCGTCCGCAGGTACATAAACAGCTTGAATAGAAGTTATGGACCCTTCCTGGTAGAAGTAATTCTTT
CTTGTAAAGGAACCCATTTTCGGTACTAAGAGGCCCAATATTATTTTAGGCCGAAGGCATTCTACCCAGTAACGC
GGATACTTCGGATCCCGCTTGAACGAAACGAAAGATATTGTCGATAAATAGAAGCACGTCTTGTTTCATTAACA
TCTCGGAAATATTCCGCCATAGTTAGGGCAGTTAAACCAACTCTCATACGAGCTCCCGCGGTTTCATTCTG
ACCGTAGACTAGAGCCACTTTTGATTCTGCAATATTTCTTCATTAATTACTCCGGATTCTTTCATTTCCATGTAA
AGATCATTTCTTCACGAGTACGTTACCTACTCCCCCAAATACAGATACACCTCCATGAGCTTTGGCAATGTTG
TTGATCAATTCCATAATGAGTACTGTTTTACCTACTCCAGCCCCTCCGAATAGTCCTATTGCGCTTTCCTCCACGT
CGATAAGGGGGCTAACAGATCCACTACTTTAATTCCTGTTTCAAAAATAGATAATTTTGTATCTAACTGTATAAA
AGCAGGGGGCGGATCTATGAATAGGAGATGTTGTGCGAGTATCTACAGGACCCAAATTATCAATAGGCTCTCC
AAGCACGTTGAAAATTCGGCCGAGAGTCGCTCCGCCGACTGGAACACTTAGAGGAGCTCTCGTGTCAACCACT
TCCATTCTCTCATTAGACCATCTGTAGCACTCATAGCTACAGCTCTAACTCGATTATTTCTAATAATTGCTGTA
CTTCACAAGTCACATTAATTTCTTGACCGGCAATATCTTGACCTTTAACTATCAAAGCGTTGTAAATATTAGGCA
TTTTGCCCCGGGGGAAAAGCTACATCTAGTACCGGACCAATGATTTGAGCGATACGTCCCAAGTTGTTTTTTCA
AGCGTGGAACCTTCAGGACCAGAAGTCGTAGGATTTATTCTCATAATAAAATGAAATATGTCAATTAATCGAC
CAACACCCCTTTGTGGGATCTA

>trans_s_13363XM_002887909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AACCTCGAGAGCGTCCTAATACAAAGTCATTAGTTACAGCATTGATTCCCCTTCAGAAAGATCTCGAGGTTCCCT
TCTCATGTATTGATGGGCATACCACAGGATGCTGCGGCTATGAATCTGTACCTCTCGGTGAAGCTAGCTTAC
GAATGGATTTGACAGCCATACATGAAGTTTTAGAAATGATTGGGTACAAGGATGATGAGGGTGCAGCAACTG
AGCTTTTCATTCCAGATGTGGACCAATCAGATGCAGGACACCTTGACTTCAAAGAAAAAGGGCGACGTTGCTTT
CCGGCAGAAGGAGTTCAGAACTGCAATTGAATGCTATACACAGTTCATAGACGTTGGGACCATGGTTTTCTCCA
ACGGTATTTGCACGTGCGAGTTTGTCTATCTGATCAGCAACATGCCAGAAGAAGCCCTTAATGATGCAGTGC
AAGCCCCAAGTAATATCTCCGCTTTGGCACGTTGCATCCTATCTGCAAGCTTCTGCTCTATTTACCCCTGGTAAGG
AAAATGAGGCACATATAGCGCTCCGTGAGGGTTCTGTCCTTGAAAGTAAAAAGAACGCAACAACCTGACAAT
AAGCAAAATGAAATACAAAATTCTCTTCATTGAAATTGCTGTTCTTCTGAAGATGAGAACAGATCACACTTCCG
TACATATTGCAAAACGTGGCCTAAGGATTGACAACATATAGAGTATGAATGGAGAGAAACGGAGGTACTTTT
ACCGCACCGTGATTCATTCATATTGTCAAGTTAAAGGTCTTTTTTAACATCGCTTCTGGATGGATTGGTTTGCTG
AGTTTTCTGAGGGTGTGGGTACTTCCTTTCTTCAAATTACAGTAGTCTGCCTGCATTTCTTCCTTTCTTTGCTT
TTATTTAATACTAGCATCTTGAGATATGATTGATTAATGTTGCTTTCAGAACATTATTTATCTGTAAAGAATTCA
CTATTTAAATTGCATTCAAGGTTGAAGTGGTGAATGCGTTTGTTAACTTTCAATGCTTTTAATTTATGTAGAAAA
CCCGTTGTTGAGCACATTGAGGGTGACACCAATTACATGATATTACTTATTCTTTCCTAATAAAATTGAGTACTT
CAAGTTGCTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCGCCCCCAAAACTTAATCAT

ACCCTCCAACCTCCAGGGGGGGGCCGGGACCCCATTTCCCCCAAATGGATCCTAATAACCCCGCTCCCTGGGC
CGCCTTTTACACCTCCTGGCC

>trans_s_13364D38019|Beta vulgaris subsp. vulgaris chloroplast genes for Pro-tRNA, Trp-tRNA,
cytochrome b6/f complex subunit 5, PSII cytochrome b559 subunit, PSII L protein and PSII
component

CAAACCAAATATTATTAGGCTGAAGCAGATTCTAATAGTCCCAAATTCATGAAATTAGACGTGAAATCTCG
AAATATTTCTTTGTGTTGTAGTTATATTTTGTGGAATCTTTTTTATTTATTTAAGGAATTGGTTAGTCGT
CCAGTAACAAGTAACAGTAGTACATAGGATTCGATGAACGAAACAGAACGAATAGAAGAATAATAAATA
TTCGTAATGCACGCATTATTGTTTTATATTAGACTCAAACGATCGTTCTTCACTAATTAGAAGAATGTTTTTAA
TATGGAAAGAATAAGAATAAATGGAGAACCTAGTTTCGAGTGATCTGATCGTGCGATACTTTTTTCTTTTTAA
AAAAGATTTTATGGAAATGAACCCACTACATAAAATCTAATTAGTGGGAATACAATTCATAAATAAAGGGCA
TTATAAGGTCATTCATTCTTCAGCGATTCAAAGAGCATTTCATTTTTGGAATCAAGTTACACAACATAGTTTATT
TATTATTTTCTTTTTTTTTTTTTCTTTCTTCTAATTATTTAGAATCCATTTAATAGATTTATATTTACTAGA
TTTATATATTAATATTGTTTATAAATCTTTATAATAAGAATATTTGTTTTGAAAACCTCAAGAGTTGTTCAATG
AATCCCTTGATTCCGAATTGCGGGATAGAGAGACAGATGATGAATTGATTTCTTACCTATGTCACAAGATTTT
GTTAGTATCATCTATAATCATAATAATAGATGAATCAAAAACCTTCACCTGAATATATTTTTCAATTAGTATTTT
TACTTATCCATCCGCGTATCTTCAAAAATAGAACTTAGGGAAAGTGCTTTATAAACATATGGATAAAAAATAAC
GTATTTCAATTAGCCTCGTCATGCTTACTATCACTAGTTATTCGGTTTTCTACTAGCAGTTTTAACTATAACCTC
AGCTCTATTTATCGGTCTGAACAAGATACGACTTATTTGATTAAAATTCATTGAATGCACAATCAAAAAAAG
AAAGATTTGCGGTGTTATTCAATATATTCTATATATTGTAGAGTTCTTACCTGTCAATTCAATTCGAATTCCTG
GTCATTGAGATTCATGGGCAATACCGATTAATATTTTAAGGATAGATATTACCTCTCCTTTCTCGTTCAACTA
AATTGAAATGATTGAAGTTTTCTCTTAG

>trans_s_13365AF124148|Glycine max trehalase 1 GMTRE1 mRNA, complete cds

ATGGATGAGGGATTGACAGACTTATCAACTTTGGCTACAACCTCAATCTTGCCAGTTGATCTCAATGTATTCA
TACTCAAGATGGAACCTTGACATTTCCAATTTGGCAAGAGCCGTTGGAGATTACTGCACGGCAGAACACTTTTTT
GAGGCCTCTCTAGTTAGAAAGAAGACAATCAACTCTATTTTTTGAATTCGGAGAAGGGACAATGGCTTGATT
ACTGGCTTGATAACGGCTCATACAAGGGTGCTCATTGGAATGCTCGAAACCAGAACGACATATACGC
TTCAAACCTTCATTCCCTGTGGATCGAATCATTTTACTCCGATAGCAGACAAATGAAGAAAGTTTTGAAAAGTT
TACGGAACTCAGGCTTGTGTGCAATGCTGGGATTGCAACTTCAGTGATTAATTCGGGGGAACAGTGGGATTT
TCCAGACGGTTGGGCGCCAATCCAACACATGATCGTCGAGGGACTGGCAAGATCCGAATTGCCAGAAGCAAA
GGCATTGGCCGAGGACATCGCCGCCAGATGGCTTCGAACCAACTATGTAGCTTACAAGCACACGGGATTTAT
GCATGAGAAGTATGATGTCCAAAAGTGTGGAGACTTCGGTGGAGGAGGTGAATACGTCCCTCAGACTGGCTT
TGGATGGTCAAATGGAGTTGTTTTGGCATTCTTGAAGAGTTTGGATGGCCAAAAGATCAAAAGATAGACTGC
TATTTACCTTCTTAAACACGATAAGATTCACCATTTCTCTTGGGATTAGAGGATATAATATCTTTAGGTTCTT
CACTCTTAGTTCATCTTAAAAGGGATGACTGTAAATTCTACAAATCATATTTGTTTCTTAAATAGTTTTAAA
CCTCTATGGTTTGCGCATATCGTCATATCATTCTGTTAGTCTCAAGGGTCTTTATTAACAGATGATGCAAATCAT
AAGAGTGTTTAGAGTTAGTTTTCAACGATGAGTACTGTTGTATGATTTGTAATTGTCCCTACAAATTAAGAG
AAGAGTCCCTTAATTGGAGGGTGCTACTTCTATATATATTAGGTTTTTAGGAACTAGAAAATATTAGATCGCAA
TAAATGTAAAAGCCTTTTCTCTAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13366DQ445483|Cucumis melo UDP-glucose pyrophosphorylase mRNA, complete cds

GATATTCATACATTCAACCAGAGCCAATATCCACGTTTGGTTGCTGAGGACTATCTTCCACTCCCTAGCAAAGG
ACGCACTGACAAGGATGGATGGTACCCTCCTGGACATGGTGATGTTTTCCCATCCTTGAAAAACAGCGGCAAA
CTTGATGCCCTGATAGCTCAGGGCAAGGAATATGTCTTTGTTGCAAACTCTGACAACTTAGGTGCCGTTGTGG
ACTTGCAAATTTTAAATCATTTGATACAGAACAAGAATGAGTACTGCATGGAGGTGACTCCCAAAACCTTGGC
TGATGTGAAGGGTGGTACTCTATTTCTTATGAAGGGAAGGTTCAAGTTGCTTGAAATTGCTCAAGTCCCTGAT
GAACATGTCAATGAATTCAAGTCAATTCAGAAATTCAAATTTTCAACACTAACAATTTGTGGGTGAACTTGAA
AGCAATCAAAAGGCTTGTGGAAGCCAATGCACTTAAGATGGAGATTATTCCAAATCCCAAGGAAGTTGATGG
GATTAAAGTTCTTCAGCTCGAAACAGCAGCTGGTGCAGCTATCAGGTTCTTTGATCATGCAATTGGTATTAATG
TGCCACGATCACGATTTCTTCCAGTCAAAGCAACTTCAGATTTGCTTCTTGCCAGTCTGATCTCTATACTCTAG
TTGATGGCTTTGTCTTCGCAACAAGGCTAGAAAAGATCCTTCCAATCCTTCTATTGAATTGGGGCCCGAATTC
AAGAAGGTTGGTAACTTCTGAGCCGATTCAAGTCAATTCGAGCATCATTGAACTTGATAGCCTTAAAGTGG
TTGGCGATGTTTCGTTGCGGGGCTGGTGTCTTCAAGGGGAAAGTGACTATTCGGCTAAACCAGGGACAA
AATTGGCTGTACCCGATAACGCCGTAATAGCAAACAAGGAAATCAATGGCCCAGAAGATTCTAAACAATTGG
TTGCCTTTCACACTCTTTCAGAGCAGAAACCTTATGGCATCTGCGTACCCTTTCTCTTTAATACCAACAAAAT
CGTGCAGTTTTGTCTGTAATATGCGTCCAGTTGGGAACTGGTGTGTTTGTATAAGATGAACTTTGTTGGCATT
AAAAACAAAATGAGTTTATATTAATATATAACACAGAATAAGCAAAAGTTAAGATTTCAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAA

>trans_s_13367NM_125062|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT5G56790) mRNA,
complete cds

AGAAGTTGAGGTCTTAAGTTCTGCCAACATCGAAATGTTGTGATGCTTATTGGCTTTTTTTGGAGGGTGGAA
GAAGGTTACTTGTGTTATGAATATATTTGCAATGGATCTCTTGATCCCATCTTTATGGAAGAAATCGTGAACCA
TTGCAATGGTCGGCACGACAGAAGATTGCAGTCGGGGCTGCTCGAGGATTGAGATACCTTCACGAAGAATGT
AGAGTGGGCTGTATTGTGCACCGTGATATCCGTCCAAACAATATCCTCCTTACTCATGATTTTGAGCCACTAGT
TGGAGATTTTGGGCTGGCAAGGTGGCAACCGGATGGTGACCTAGCAGTAGAAACCAGAATCCTTGGGAGATT
TGGCTACCTGGCTCCTGAGTATGCACAGAGTGGCCAAATCACAGAGAAAGCCGATACATACTCATTTGGCGTT
GTCTTGCTGGAACCTGTGACTGGACGCAAAGCGATTGATTTAAATCGTCCCAAGGGCCAGCAATGCCTCACTG
AATGGGCACGAAACCTGTTGAGGAAAAATGCGATCTCTGAACTAGTTGATCCATCTTTGAGGAACTGTTATTC
AGATGAGGAAGTTCACCGCATGCTGCAATGTGCTTCCTTGTGCATAAAGCGTGATCCATACGTAAGACCGCGT
ATGTCTCAGGTGCTTCGGGTGTTGGAGGGCGACATCGTTCTGTAAAGCAGCAGCCATATAGGAAGCCTTGTT
GGAAAATTTGCAGAGTTGTAAAAGTATATATATGGTCTGGAATCAAGACACTCACATGGCTAAAGGGGATG
TTGGAGGAAAGACCAATTTGTCTTCTGAGAGGGTGATTAAAGGAATTCCACTTTGCAGAAAACAGTTTATTTA
TTTATTTTAAATTTTCATCATCTTAGTGATTATAGCTTTGATTAATGGATTTGGTTGTAATGTAAATAAGAGGAT
CAAACCTGTTCTTCTGTATCCATAAAAATGTCAAGATTTGGCTTGGGATAGTTCCAAATAAAGTTACTTGTATGA
TATTGTATGATATATTAATAGGTTGAATATATATGTGTTGGTCTT

>trans_s_13368NM_127796|Arabidopsis thaliana ATUBP4 (ARABIDOPSIS THALIANA UBIQUITIN-
SPECIFIC PROTEASE 4); ubiquitin-specific protease (ATUBP4) mRNA, complete cds

CTCAACGAACTTGTTGACATACTGGAGAAAGAGGCACATGCTATTAAGTATGATGCAGAAAGTTCATCACCAT
CTGAAAAAATTTCAAATGGTCCCAAGACTGGTCAGGCAAATGGTGCTCAAAAAGAGCCGTTGGTGAAGTTGGG
TCCATAAAAATTTTCAGGGTTTACTAACTAATGAGACAAGGTGTTTGCAGGTGCGAGACAGTTACAGCAAGGGA
CGAACTTTTCTGGACTTGAGTCTTGATATTGAACAGAATAGCTCAATAACTAGCTGTTTAAAAAATTTTCAGT
TCCACCGAGACATTGAATGCGGAGGACAAGTTTTTCTGCGACAAGTGCTGCAGTTTGCAAGAAGCACAGAAG
AGGATGAAGATTAAGAAACCACTCATATCCTTGTCATTCATCTGAAGCGGTTTAAATATATCGAGCAGCTTG

GCCGCTATAAAAAGCTGTTATACAGAGTTGTTTTCCCTCTTGAGCTGAAGCTTAGCAACACGATGGAGGATGC
GGATTCTGAGTACTCTTTGTTTGCTGTTGTGGTTCATGTTGGAAGTGGACCCAGCCACGGACACTATGTTAGTC
TTGTGAAAAGCCATAACCACTGGTTATTTTTGACGACGAAAATGTGGAAATGATTGATGAGTCTGTTGTGCA
GACATTCTTTGGATCTGCACAGGAATATTCTAGCAATACTGATCATGGCTACATCTTATTCTACGACAGCATTG
GTACTGGCAACAAGAGCTGATAATTGGAGAATCCCATATCATCAGCCGTCGGGTAATTTAAATTCGACTCTT
GCTTTTTTGGGTTGCGATGTTTATTAATGTTATTACTTTTCTTTTATCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTATAACACC
ATTGGGAAGAGCTGCGAAATATTATTGATGTTATGGACTGAAAAATGTATACATGTTGCGTTGCCAGTTTGG
CATATACGGTACGGCGGCAGCTTTTCTTTCCCTTTCAATAAGTGAAAAGAGAGCAATGTATGATGTTTAT
GAATTGCTGCTTTAGAGTTGCAAAAAACAAAAA

>trans_s_13369NM_106112|Arabidopsis thaliana ATHVA22A (ATHVA22A) mRNA, complete cds

ATTCTACTGTTCTTTGCATCTTTCTTCTTTTTTCTTTTCGCCTCTGGAAAGTTCGTAACACTAAACATTTTG
TATTAACAGAGTATTTACCGAATCTCCCATTTGGTTTATCCGCTAATTTCTTTTATCTCTTTCACCTTCAGCACT
TGTTTCATGATTAAGGCACAAAGTTTCAATCTTTACTGTCTCTCTCTCTGGGCTACCGAACTCGACAAACCCA
AGACCCCTTTTACGAGGAATCGATCATCCAGAAGTTTCAGATCAAACGGAGAACGGGAACTCTTTCACAATC
AATCGACGCCAAATGGGATCTGGAGCGGGCAGTTTTTCAAGGTCATCCTAAAAAATTCGATGTTCTTGCCG
GGCCTCTTGAGTCTTGATATCCTCTCTATGCATCAGTTAGAGCCATAGAAACAAAGTCTCCTGTGGACGAT
CAGCAATGGCTTACTTACTGGATTCTGTATTCTATGCTCACACTCTTTGAGCTTACATTTGCAAAAGTTCTTGAA
TGGATCCCTATCTGGCCATATGCAAAGTTGATTTGTGATGCTGGTTGGTCATTCCATACTTCAGTGGTGCTGC
ATATGTGTACGAGCATTTCTGAAGGCCTCTATTCATCAACAAACAGACAGTTAACATTTGGTATGTTCCAAAGA
TGAAGGACTTCTTCAGCAAGCCTGATGACATCCTAACCGCTGCAGAAAAGTACATTGCTGAAAATGGGACTGA
AGACCTCCAAAACATCATCAACAGGGCTGATAAGGCTCGAACAAGTAACCGTTACATGAGCTACACTGAGAAC
CACGACCACGACCAGATTACAACCACGATTACTGGCACTAGTCTATATCATGTGTTGGAGGAGGGTAAGATA
GGATAATCTTTGGCTGTCAGTTGGTTGATGCTGTGTGATAGTGTATCTGTATGTTTTGATTTGTTTCATATG
AAACACTAAACACTCCGTAAGTGTAAGATATTCCTTCTAAGTAGTTGGTCTAATATTATTAATGGCTTCTGGAG

>trans_s_13370NM_105555|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein
(AT1G68810) mRNA, complete cds

ACAAGACTGGCCCCTGCCTCCTCTTTGCATCAGTTATGGAAGATAATAACTGGGATCGTTCTACTAAGCCTGA
GGGGCTAAATTTTGATCACTGCAATCCCAATTCAAGCCATGAAGCTTCTCTTCTTCATCCATGGATGATTAATCC
TCAGTTTTCAAGCTCAATGAGTTCTTCCCGTCATTTTCAAGTCCATCAGAAGGAATCATTGTTGAAGATAGAGC
AGCTTCTGCTTCAAAAAGCCATAGCCAAGCAGAAAAGAGACGTAGGGACAGAATCAATGCTCAGCTTGCAAC
TCTTAGGAAACTCATTCCCAATCTGATAAGATGGATAAAGCAGCTTTGTTGGGAAGCGCAATAGATCAAGTG
AAAGACCTGAAACGAAAAGCGATGGAAGCCAGTAAGAACATGACAGTTCCAACAGACATGGATGAAGTAAC
TATCGACTCCACCATGGTTGAAGACAATAGCAGCAATAACATTGCGATAAAGGTATCGGTGAGTTGTGACGAC
CGGCCAGAACTGCTCACAGAGCTCATCCAAGTGATCAAAGGATTGAAACTCACAACAATAAGAGCTGATATG
GCCAGTGTGGTGGTCGCATTAAGCATACTTATCCTTTGCAATAAAGATGGTGAAAAAATGTCTGCTTAA
ACACTGTTGAGCAGTCTCTTAAGTTAGTTTTAAGTCGAATGTCATCATCACTGCCTCGACCTATCGTATTA
GAAGTAAACGACAGAGGTTCTTCTCCCTTCGCAATATTCATAGTAGTTTCTTCTTCAATTATTTAACTACGA
ATAGAGCTATCGATCGAAAACGAAGCTTCAATCCAATTACAATGGATTGACAAAAGATAAGTGATAAAGCC
GAAGCCTCTGAAGGAAGGATGAGGAGAGAAATTGAAGCTGTATTAAGATTCCAAGTTGAAAAACAAACTA
GATAGGTAAAATCCATCAAAAGATTCGTTAAGTGATGATTGAAAGACAGAATAGAAAATGGACGAGTCAA
AGAACACCAATATAT

>trans_s_13371AF197567|Nicotiana tabacum pollen specific LIM domain protein 1a mRNA,
complete cds

AACAAACACATAAAAAAGGGCAAAGGAAAGATCTTCTGTTTCTTCTTCCCTTCTCTTATTCTCAGTTTGATAGTTC
 AGTTCAGCTCTGTTTGTGTTTCTGTTCAATAATTTCTTCTTTGAATCCTTCAAATTTTATGAAGATGGCTTTCTT
 AGGGACAACCCAAAAGTGCAAAGCTTGTGACAAGACTGTTTATTTGGTTGATCAGCTTACTGCTGATAACAAA
 GTTTATCATAAGGCTTGTTCAGATGCCACCATTGCAAGAGCACTCTAAAGTTGTTCAATTACTCCTCCTTTGAG
 GGTGTATTGTATTGCAAACCTCACTTTGATCAGTTGTTCAAGATGACTGGAAGCTTAGAAAAAAGTTTTGAAG
 GTACTCCAAGAACTGTTAGAACAGACAGATCTACCAATCAGGTCCAAACCAACAGCAAATTGTCAAGTTTATTT
 GCTGGAACCTCAAGATAAATGTGTTACTTGCAAGAAAAGTTTATCCAATTGAGAAGGTGGCAGTTGACAGTA
 AATCATACCACAGAGCTTGCTTCAGGTGCTCACATGGAGGATGTGTGATTAGCCCATCGAACTACATAGCGCA
 TGAACATCGACTCTACTGCAGGCATCATCACAACCAACTCTTCAAACAGAAGGGGAATTTAGCCCAACTTGAC
 AAGCATGAAGAGATTAAAGTAAGTGACTAAGAACACACCAGTTGAGAACAACCTCTCTGTCGATTGCAACTGTT
 ATATCGTGCACGAGGAGCTGATAAAGTTACAATTTTCTTCACTACTTACGGATTGGTTTGCTATTCTATGAAG
 TGTACTATAACAGCAATTTGAGCTTCCATAAATTTTTTGAAGTGTGAGCTTAAACCTTATATAAGAACTAGCAG
 AAAGAGATGTATTGTTATTCTAATCAATTGATCAGACCATAAGCTGTTTTATCATTTTCAATTAATGAGTTGTTTT
 CTTTCTTTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13372AY052286|Arabidopsis thaliana AT3g06780/F3E22_8 mRNA, complete cds

AGTGACTCGCCGCAACTCGTTTCTCATTGATTTTTCTTCGATTCCCCCAAATTTGTTAAATCCCTGGTTCTC
TTCTACTACGAAATCCCAATTCTAAATCCTTCCATTCCAATGGATTCTCTCTGGTTGCCGGAACCCTTTCAATG
GTTGCCAACAATAGCATCGGCTTCGCAAACTCCTCAATCGCCTCGATTTCGTCTCCAATTACTGTATCTCCGCC
ACCGATTCAATCACCGACCAGATCCCATCGTCTTCCACCGCCGCAAGTCTTCGATTATCTGCCGCACTTTTCCCC
GTCGCAACCATTGCTCCGCCCCCTGTAAATCGGTTTCCAACCGATCGGCCTCTCGGACATTTCTCCGTAGAAA
GCGTCGCACGAAACGTAGATTGTATAGTGATGATTCCGAGGGACGCGAGGACGATGGATTGGCGGCGGCGG
ATTTTGATGGACCGTATGGTGAGATGGGGGTGGCGGCGGCGGTGGTAGAGGTTGGAATTTGCATAGATTT
GGAGGAAATGATTGGGATGAATCGTCGTTTTCTTCTTCTCTTCAAATCCAGCGTATTATTTGTTTACGAGGT
GGTTTGTTGGATTGCGTTATCAAATTGTGTTCATTTTGCGTTCAAGAAGGTTGTTAGATTGTCAGCAGAAGCAT
TTGGGAATTCCGAAAGGGGAAAATTGTCCATGAGATTAATCTCCGTTTGTTGATCAGTACAAATTCTTTTCTC
AATGATTATCTTTAGAAATGGAAATCTGGGTATAAATCTCTTGATTCAATTTCAAAAAATTGGTCTGTATATAT
TTTGTAATAATTACATTGTTTTATAAATTGGTTGGGGATTACATATTGAAATCTGTGCCTTATCAATCTGATA
ATGTCATTNCCTTTGTAGTTAATTCTCTGTGGCTGATGTTTCATGTCTAGCATTCTTATAATGGATAAAAAAAGTG
GGGTGTTTGTCTACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans s_13373AY103872|Zea mays PCO139073 mRNA sequence

CCAATGGAAATATATGTAGATGATGAGGCAAAGCTGACATTGCATGGTCTTGTCCAGCACTACATCAAATTGA
GCGAGATGGAGAAAAATCGGAAGTTGAACGACCTTCTTGATGCATTGGACTTCAATCAAGTGTTATTTTTGT
CAAAAGTGTTAATAGGGCAGCTGAGCTAGATAAGTTATTGGTGGAGTGAACTTCCCCTCTATATGCATCCAC
TCTGGCATGTCTGCAGGAAGAGAGGTTGACTCGATACAAAGGTTTTAAGGAAGGACATAAGCGCATTCTTGTG
GCTACAGATTTGGTTGGTCGAGGAATTGACATTGAACGTGTAAACATTGTTATCAATTATGATATGCCAGATTC
AGCTGATACATATCTGCACAGGGTTGGCAGAGCTGGTAGATTTGGTACCAAGGGCTTGCAATTACTTTTGTG
TCATCTGCAGCTGATTCTGATGTTCTCAACAATGTTCAAGAAAGGTTTGAAGTCGATATTAAGGAGCTTCCAGA
GCAGATTGATACCTCCACTTACATGCCATCATAGATGTAGAGATCTTCACCATAGAAAATCGGCTACCCAGGTT
GGTGAGGGGTGGTTCAAATTTCATTTTGGTTTGATTTGGTTTGAAGTAAATGGATGAAAGGCCACTGCGC
ACTAGCTTTTGATGCGAGTGAGGGCAATGGTGGATGCTCTAAATGTGGTGGTGTACTCTGCCATTTGAGTTT

TATTGTATTCTAATTGCTGGGGCTGTCTTGCAATTGGAAGTCTCTTTATGCATTTTATTCTGAATGACGAATGATC
TCTTAAATGTAATACTTTAGATATCCTTCTCTCTGCAAGATTAACAATTACGGTAGACTGTTGGTAGTATTCTCT
ATGATTTTTATTAGATTGTTACGTGAACTCATTTACTAGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AA

>trans_s_13374NM_001056444|Oryza sativa Japonica Group Os03g0309000 (Os03g0309000)
mRNA, complete cds

CATGCATTTTTCCATTGGAATGCTATTCCAGGACGGTTGTATGGTGGGAACAATTTAGACATTGGAAGTGG
GGTGACAGATTGGACATTTGGTGGACGTGTATGCTTGGAAATCCTCATTGTAGATACTTAGATGGAATTGGCC
CATCTGGAAATGATTCAAGTGCGAAGAACGACTGGAAAGGTGCATGGTGGCACAGCAGCTTTTCCCATCATTC
AGGTTTCGTGGAGGAAGATAGTCCATATTCATCAGATAACCAAAGGGTACTTATTATTTGGAATTCTCTAGGC
CTTTAAGAACCTCGGATCGTCTTCAACAGGATGCGCAGTTTGTCTTGGTGGATCAAGTAAGATGTCGGCTGC
ATTTTGGTATCCTGTGGATGGGAAGCCATGGCATGGCTCTGGACACTATTCAATTCACTGCGATTGGACATCTT
TAGATTTCTATTCCAGTAGTTCAAACTGACCTCATCGTCACATGGGAGTGGCTCGGGGAGCACTGCGAGTAT
TTTTGCCCTCTTGATCTCAGTAATCTCTTTGTGCCTCTCTGTTGTTGTTGTGTACAGACTTTTCAGACCCCAAAGT
GTGGCTGTTGAGTACACAGTTCTCAGACCTCAAATGTGGCTCTTACATCCATGGACAACAACAACCACCCTTA
GAAGTGAGTGTTTCTTCTTTTGAATTGTATTATCGATCAACTTTCTCTTCGCAACTGTTGTTCTTTACAAAC
TTTCCACTTTCTGCTGTTCTTTGTGGGGCTAACAGGTTTTTTATTATGAGGTTTTAATTGTTGGTTTATTATAAGA
TGTCCACTTTGGGTTGTGCCATGTGGGTGTAGGCTGTTGTTAAGTTTAGATAGTGAATGGAAAAGTTGTGTAT
GGATTGATATCGTGATATCGTGATTCTTTCTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13375EU373003|Gossypium hirsutum gland development related protein 10-like mRNA,
partial sequence

AATGGAACATTGTTAATTGAACCCAAGCCCCAAGAGCCTACAAAACACCAGTATGATTGGGATGCTGCAACAT
CTGCTAATTTCTGCGGAAGTATGGTCTTATTGATGATTTTCACTTAACATTGAATGCAATCATGTCACCCCTAT
CGGGTCACAGTTGCCACCATGATCTTGAACTGCAAGGCTCAATGGGATTCTTGAAGCATTGATGCGAACAC
TGGTGACCCTCAAGTTGGTTGGGATACTGATCAATTTATGATGGACGTCTCAGAGGCGACTATGGTTATGCTC
AGTGTTGTGAGAAATGGCGGATTGGCACCTGGTGGATTCAATTTTATGATGCAAAATTGCGAAGAGAGAGCACA
GATGTTGAAGATTTGTTTATCGCTCATTGGTGGAAATGGACACCCTTGCCCGTGGTCTTCGAAATGTTGCTAA
ACTACTTGAGGATGGTTCTTTAACGGAGCTTGTTCTGAAGAGATATGAGAGTTTCGACACTGAGATTGGTGCA
CAAATAGAGGCTGGTAAGGCTGATTTTGAGTTTCTTGAGAAGAAGGCCTTGGAATGGGGAGAGCCAAAGGTT
CCTTCTGCCAAGCAGGAAGTGGTGGATGATTTTCCAGTCAGCACTGTGAAGAAACAAGAGCAGTTTCTAGT
TCTCTAGTTTTTTTTTCCCTTTTTTTTCTTCCCTTATGGTTTAAATAATGAAGGTCTATTATTCGTGGGTTTCA
ACTGTTCTGATTATGGCAGAAAAGTACATATAGAATAGATAGTCTTATGTTCAAGTCTAGCTTGTAGCTTTAT
CTTTGTTGGGTATCATTTATTTAACTTATGGCAAAGGGAAGTGGTATGTGAATTTTATTGGGATTTATAAATTTT
TCTTTAAATAAAAGCTTTTTTATTCTAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13376Novel Gene

ATTTTCCTTCATAGCTTCATCCTCTTTGGGGGCATTCGTAGTTTCTCTTATTCTTCTTCTCAACAAGGAACCAACA
GGTCAGTCTTCTTCTCTCGCAGTTCTTACTGTCATGTATAACTTGTTTCACAGAATCATTCTACTTAGACCTCC
ATCGTCAGTCTTTTCTCACGGATTTTCCGAATGTCCGTTGAAATCTCTCAGATACTTATCCACCTCTTCTGAGATT
GTATCATCTCCGAAATCTGTTTCGTTGGCCTCTAATGTTGTTGAGCTCGAGAATAATGGGAAGGCTGTACGTGC
GTTACTTGCGAATCATGGATTCTCTGAATCACAACTCTCTAACCTTGCCAAGAGGTATCCTCGAATCTTTCTGC
GAAGCCCGAGAAAACCTACTGCCCAAAGTGTGTTTTTTCAATCTAAAGGTCTTTCTTCCCAGAAAGTTGCC

AAATTAGTATGTTTCATGTCCTTATATCGTAAAAGTAAATTTAAACAAACGAATTATTCCAGCCTTTGATTACCTT
CAAGCCATGCTTGGAAGTGAGGAGAAGACTCTCGCTGCCATAAACCGCTTTGCGGGTATTCTCGCTTGGGATC
TTCGAATTTTCAGTTAGTCCCAATATTGAAAATCTGAAACAAATTGGAGTGCCGGATTCAAATATTTTAAATAT
CTTCAGGGGCAGCCTAGACATTTCTTAACAAATTCCATCCGATTCAAGGAGACTGTAGAGAGAGTTACGGAAA
TGGGATTCAACCCTCAACAACTGCAGTTTGTATTGCTGTTTCTGGTCTACGAGCAATGACCAAATCTACATGG
GATAAGAAGGTTGAAGTTTATAGAAAATGGGGATTGTCTGAAGAAGAGATCTGTTTGGCTTTTAGAAGGCAT
CCGTGGTGTATGATGCTTCTGAGGATAAGATTAATGGTGCAATGGATTTTTTTG

>trans_s_13377NM_125821|Arabidopsis thaliana 2-nitropropane dioxygenase family / NPD family
(AT5G64250) mRNA, complete cds

AACCCATTATTGCCCACTCAACACACAGATTCAGATGAGTTTTGGGGGATTACTTGGTTTTCAATATGGCATAG
TTCAGGCTCCGCTTGACCTGATATCTCCGGTCCCGAACTCGTTGCTGCCGTTGCCAATGCCGGTGGACTTGGT
CTTCTCCGAGCCCCGATTGGGAGTCACCTGATTATGTACGAGAATTGATAAGGAAGACCCGAGCGTTAACGG
ATAAACCATTTGGAATAGGTGTCATTTTAGCATTTCTCACGAGCAAAATCTGAAGGCCATATTAGATGAGAA
AGTAGCTGTTGTGCAAGTTTACTGGGGAGAATGTTCAAGGATCTTGTGGATCAAGTTCATTCTGCTGGGGTG
AAAATTATTCCACAAGTTGGGAGTGTTGAAGAAGCGAGTAAAGCAGTTGATGCTGGCGTTGATGCAATAATT
GTGCAAGGTCGGGAAGCAGGAGGACATGTTATTGGTCAAGAAGGTTTGATTTCATCTTACCAAGGGTAGTT
GAAATTGTTGGGAATGAAGATATACCTGTAATTGCGGCTGGCAGTATTTAGATTCCCAGGTTATGTTGCTG
CCCTGGCCCTTGGCGCTCGTGGTGTCTGCCTTGGAACTAGATTTGTTGCTACTGAAGAAAGCCATGCTCACCCT
ACATACAAGAGGAAGTTGGTGAAAATGGAAGCAACCGACTATACAAACATTTTCGGCCGCGCAAGATGGCCT
GGTGCGCCACAGCGCGTTCTACAGACTCCCTTTACGATGATTGGAAGTCACTTCCTGCCAATGAAAATGAAA
GCAACCAGCCTGTCATCGGGCGCTCAACAATTAATGGCTTGGACATAGATATACGGCGCTTTGCGGGTACTGT
GCCAAATGCAACGACAAAAGGTGACATCGAGAGCATGGCAATGTATGCAGGGCAAGGAGTANGACTG

>trans_s_13378AY494790|Momordica charantia var. abbreviata phytoene desaturase (PDS) mRNA,
complete cds

GATGGAAATCCTCCTGAGAGACTATGTGAGCCAATTGTCGAGCATATCCAGTCATTGGGTGGTGAAGTACGA
CTTAATTCCAGGATACAAAAAATTGAGTTGAACAATGATGGAACAGTGAAGAGGTTCTCATTAAACGATGGG
AATGTAATTGAAGGAGATGCTTACGTATTTGCTACTCCTGTTGATATCCTGAAGCTTCTTTGCCTGATGACTG
GAGAGCAATCCCATACTTCAAAAAGCTGGAAAAATTAGTCGGAGTTCAGTAATCAATGTCCACATATGGTTT
GACAGGAAACCGAAGAATACCTATGATCACTTACTCTTTAGCAGGAGTCCGCTTCTTAGTGTTTATGCGGACAT
GTCAGTTACATGTAAGGAATATTATAACCCAAACAGTCCATGTTGGAAGTACTCTTCGCACCTGCAGAAGAG
TGGATTTCTCGGAGTGACTCGGACATTATTGATGCGACAATGGTGGAACTAGCTAAACTATTTCTGATGAAA
TTTCTGCTGATCAGAGCAAAGCTAAGATTGTGAAGTACCAGTTGTTAAACCCCAAGGTCTGTTTACAAGACT
GTGCCTGACTGTGAACCATGTCGCCCCCTTGCAACGATCTCCATTGAGGGATTTTATTTAGCTGGTGACTACAC
GAAACAAAAGTATTTAGCTTCCATGGATGTGCTATTCTTTCAGGAAAGCTTTGTGCGCAGGCTATTGTGAAGG
ACTATGAAGTGCTAGTTGCTCGAGAGCAAAGACGGGTTGCCGAGGCTGGTGTTGTTGACAAGAAGTCTAG
GGTAATTTTGAAGGAAAAAAAAAAAAAACTTCCACATACTATCAACCATGGAGACATTGCTGCTCCAATGAT
ACAAATTGTAATGCCATATGTTGGACATAAATTTTGATTCCACAGTTAAATAAATTAATCAGTGT

>trans_s_13379XM_002876027|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinesin motor family protein, mRNA

AATCATCCCCTGCAGAAGAAGATAGTAAGTCTAATAACTTCAGTCCTTTCTATGTAATCCTATCCCCGGAGAAA
CCTTCTCCATGGAATATGGACAAAGATATCTGTAAGTCTGGACGATTAAGCCTAACTAGGAGTAGAAGTTGTA
AAGCCACTATTATGAGAACCTTATCTTCGGAGAATATCAAGGAATTCAGAGCACACCACCAATTTGGCTTGG

AAAAGACTTCGTAGGGAGACCTGAGGGCTTCCAAGTAAATCTTCATACATTGAAATATGATGCTGAGTCTGAG
AGGTCATCACTAACTCGTTCTCAAACCTCCCTGAAGAGTGCTTCCAAAGATGCGCATATTGAACAGAATTTTGA
TGTGTTCTGAAGATGACAAAAGTGATGTGACTACTTCAGCTACAGAACTAGAACATGACCGGCTATCCAACCTT
GAGGGAGAAAATCAACTTCTTGGTGCAACAAAGCAGATATCCAATCTTAACAGTGAAAATCATCTTCTTGATG
CAGCGGTGCTTGAGGCTAAGCCAAATCCCATTGAATCCGAGAAGAATGTGGAAGATATTGGCGTGATCCAA
TCCATAATAACAACATGATGATAAGTCCTTCAAATGGCCTTCGGAATTTAGAAGACTTCAAAAAGACATCATT
GAACTGTGGCATATTTGTAACGTCTCATTGGTGCATAGGACCTACTTTTCTTCTATTTCAAGGTGGCGATCC
AGCTGATTCCATTTACTTGAGGTTGAATTGAGAAGACTATCCTTCTTAAAGACACATTTGGTCGAGGAAATC
TACTGTCAGAAACGGTGAAACATTGACACAAGCATTGAGTTTGAAATCGCTTCACCGGGAGAGACAAATGTT
TGTGCAGCAAATGGAGAAGAGACTCACAAAGAAAACAAGAGAGAGCCTA

>trans_s_13380NM_001063832|Oryza sativa Japonica Group Os06g0251700 (Os06g0251700)
mRNA, complete cds

CAGACTTCAAATGGCTATTTATCCAGAAGAAATACAACTCACACACAGGGTCGCTCCAATCAAATAGTGCCA
GTGCATTGTTGAAGACCACAAAGATCTCTTAGATCATTTGACGGTGGTAGATCACTGGAAAGAGACAA
ACTTGTACAAGATGTGGTGGTAAAAATAATTCAACCAAAAATAACCAAGTGGTGAGATTCAATTTCTGAGACA
ACTGCTCCATATGAAGAGAATGAAGATGGTATTGGAATTGAGAAAACCAAAACAGAGCAAGAGGATCTTGTT
TCTGGAGCATTGTATGACATGTTACAGAAAGAAGTCATATCTTAGGAAAGCTTGCAACGAAAAAGATGTAA
CCCTCAAAGACAAGGATGATGCAATTGAGATGTTGGCAAAGAAGGTCGATACTTTGAATAAAGCAATGGAAG
TCGAAGGAAAGAAAATGCGAAGAGAAGTAGTTGCAATGGAGAAGGAACTTGCTGCTCTGCGTGTAAGCAGG
GAAAGCGATCAAAGGCCACGACGCCAGAGTGCTCCCAGGGGGGCTGTAGTTAGCTCTCAGTCGCTTCTGTC
AAGAATATCCGAAACAGATAGGGCGTCAACATGGGAATAAACATTGATGAAATGACTTCTTATCGACTGTATT
GTCAATATAATTGTATTTTATTATGTCATAAACTCTGCTCTTCTTTGGCCCTTCTCATTTGAGCAATCTTGCT
AGTTTTATCTATTTGTAAAGAACTAACATGAGTTTTTTCTAGGAATTCATCCTGTCCTGTATATTTTTGTACCAT
TGGTATGAAGAACAGAAAAAATAACAAGTTAAAGGGGATGCCATGAATTTTATGTGTCAGGTGATTAATAA
CTTTGTAATCTGTCCTCTAAGAAGTGGAATTGAA

>trans_s_13381EU925809|Vitis vinifera auxin binding protein 1 (ABP1) mRNA, complete cds

AGAAATTACGGAAGTATCTGGAAGGGTATATAGAGTGAACGATTGATGAAGCACCAAAAATGGTGAGAGAG
CAGCAAGCGACTAGATATCAATGGCGGGATTTTCTTTGCTTTATCTTTTGCTCAATTTTCTCTTTGCAATCA
CTGAAGCATCCCGTTGTTTCGATCATCGGGTTGCCCTAGTAAGAAATATCAGTGAGCTTCCACAAGATAACTAT
GGAAGGGGAGGCTTGCTCACATTACTGTTGCAGGTTTATTATGCATGGGCTGAAGGAGGTGGAGGTGTGG
CTCCAAACATTTTCTCCTGGATCGCACACACCTATTACAGGCACTCATGTGAAGAAGTTTTTGTGGTTCTGAA
GGGACTGGCACTCTCTATTTGCTCCTAGTTCTCATGAAAAGTACCCTGGAACACCAAAAAGAATTTCTATCT
ATTCAAACAGTACATTTCTCATACCCGTTAATGATGCTCATCAGGTTGGGAATACAAATGAACATGAGGATCTA
CAAATGCTTGTGCATCATTTCTAGGCCACCAGCCAAAGTGTTTATTATGATGATTGGTTCATGCCCCACACTGCT
GCAAGATTGAAGTTTCTTACTATTGGGACGAACAGTGTTTGAAGCGCCGCCAGTGAAGGACGAACCTTGAT
CACTTCGATGTTGTTCAAAGTTGTTTTGTCCTGCACATGAAGTGTGAAGTCGTCGTAAGTCTCAAGAAAATAGT
GGAAATATGTGGAACCTTAGTGGAAGATCATTCAAATCTTCATTGTTCTACTTCTACCTCTACTTCATATTTTCT
GGTTTTGGTATGAAGTATCATATCCCCAATCCTTCTTATACCCATAGGATGACAAAAACTGGAGTGATTACC
ATTTGCTC

>trans_s_13382XM_002324047|Populus trichocarpa chorismate mutase (CM1|CM), mRNA

CAGCTAAGGGAATCTACAACCTGATTTGGAGCTGTTCTTCACTGAGAATGAGGACGACGGTGTCTCAGACACTCA
ATGCCACGATTCTAATTCTTAACCTCTAGACGGCTCCCAATCTCCAACACAACACCCACCAATCCTCTTCCATTTA
ACTTACCACCCACCATCTCAGATTCTCTTTTATTTTTCATTTCTTTTCTCTTCTTCTCGCTTTTGTTCATG
GAGGCAAAACTTTTGGGAATTTCCCCTTCTCTTCAACCCGGTTCGATTCCGCTCAGAGTTTCTCGGTCTGAGCTG
TGCTTTTCCATCCAGAATCGGACGCGTTCAAGGTGTTGATGTATCGTTCGAGTATGATGAGATGGGGCTTTC
CACCTGTTAAAGCTTCTTCCGCTTCCACCCGATTACTAGCAATGAAGAAACGGGTGGACATGAGCGAGACCTT
GACCCTCGAAAGTATAAGATTTTCATTAATACGACAAGAAGATAGCATAATATTTGGTCTTTGGAGAGAGCAC
AATATTGCTACAATGCCAATACATATGATCGAGACACTTTTGTATGGATGGGTTTCACGGTCTTTGGTAGAG
TATATGGTCAAAGAAACCGAAAACTTCATGCAAAGCGGGTAGATATAAAAGCCCTGATGAACATCCTTTCT
TCCCTAATGACTTGCCGCAACCATTATTGCCTCCACTGCAATATCCTCGGGTTCTACATCCAATCGCAGACTCCA
TTAACATCAATCCAAAAGTATGGGACATGTACTTTAGAGATCTGATTCCAAGGTTAGTTGAGGATGGAGATGA
TGGTAACTGTGGATCAAGTGCTGTTTGCATACAATCTGTTTGCAGGCCTTATCAAAGAGAATCCATTATGGA
AAATT

>trans_s_13383NM_148146|Arabidopsis thaliana AtGDU3 (Arabidopsis thaliana GLUTAMINE
DUMPER 3) (AtGDU3) mRNA, complete cds

ATCTTCAACCATCTTTCTCTACAATTTCCAAACACACAATATAATTCTCCCTCTTTCTAACAATGGCGGCTAGCCG
AGAGCCCTTCAACGTCTTACCGCACTCCGCCGCTCCGGCCGCTCATCATCAACAATTACAGCATGAGCAGCACT
CCCCATGGCATTCCCCTGTTCTTACTTATTCGGTGGCTTGGCCGCTATGTTAGGTCTCATCGCTTTTGCCCTTCT
AATCCTCGCTTGCTTCTACTGGAACTCTCCGGTTACCTAGATGGTGGCGACTCTGCCAACCGAGAACCCGACT
TGGAGGCCGCCGGCGACGACACCCAGAAACAAGCTTCCCCTGTTTTGAAGAGAAAATCTTGGTTATCATGGC
TGGAGAAATGAAGCCACGTATTTGGCTACACCCATGTCTAGTAGATCATCTTCTTTGGGGATACCAAAAGT
AATAGTAGTTGTGGTAGTAAGGGCAGTAGTACCGGCGACAAGGAGGAGAAATCGGTGGGTTTAACGGAGAC
GGTGAAACACAGCACAGCCGATCAGGAGAAACAGAGTATAGAAAACAGAGAAACTCCTGAATCTTCAGATCC
GACGACCCATTAACAATTTTTTTTTTCTTTTAAATTTGATTTTGTTTTGTTGGGCACTCATATGTGTGTCGTCGT
GTTCCGCCATTAATATATATATATAGACATAGAGAGAGAGAGAGTGGACAGCTAGCTCGTAATTTTTAAAGGT
TTTGGGATTTTTTCCATCAGAAAAAGCCTGAAATTGATGAAAAAAGAAAAATACGAGCTTTGCTATTA
AATCTTAACCTGAGGGAGATTTTTTCCCTCTCGGAAATCTGTAAATCTATTATGAGACGGAATGAATCCTTTT
TCCCT

>trans_s_13384AY899280|Capsicum annuum Sgt1b mRNA, complete cds

ATTGCTCTTAATAGCCTTTTATCATTTATCACGACTTCAAGTCAATCAAATTCTTTCAAAAAAGGAGCCTGCTCG
ATCTTTCTCCTTCCCCTCCCTCCAGAACCTTCCGACGCCTCAACTCTCTTCCATGGCGTCCGATCTCGAAGCCA
AGGCCAAGGAAGCCTTTATCGACGACCACTTCGAACTTTCGTCGACCTCTACACTCAGGCTATTGCTCTTAGT
CCCAAGAAATCCGAGCTTTATGTTGACCGCGCTCAGGCCAACATCAAACCTCGGCCATTACACTGAGGCTGTTG
CTGATGCCAACAAAGCAATTGAACCTTGACCTTCAAATCAAAGCATACTTGCCTAAAGGCACTGCGTGTCT
GAAGCTTGAGGAGTATCAAACAGCAAAGGTTGCTTTGGAGACGGGCTCTGCTTTAGCCTCAGGAGATTCAAG
ATTCACGAATTTAATAAAAGAATGTGAAAACTCATTGCTGAGGAAATGGGCGATCTTACACAGGAATCTGTG
GAAAAATAATGTTCAAGAACTGTTAAATCAAGTGCTGACATCGTACCCGTGAGTGATCAACTTCATCATGCGA
CAATAGAAGTCAAACCAAAATTCAAGCACGAATATTATCAGAAACCAGAAGAAGTAGTTGTGACCATATTTGC
TAAGGGAATACCAGCTGAAAATGTTGCTGTTCAAGTTGGTGAACAAATTCTAAGTGTTACTATTGATCTTCCTG
GTGAAGATGCATATCGTTTTAGCCTCGTTTATTTGGGAAGATAATACGCGAGAAGTGCAAATTTTTGTGTTG
TCAACTAAAATTGAAATTCGTCTTGTTGAAAGCTGAGCAAATACACTGGACGTCTTGGAATCTCCAAGGA

>trans_s_13385AL161501|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 13

ACCCTCAACCAATATTTTCTTCTCAAATCCTTTCAAAAATCCCCAACTACTACTTTTCATTTCGCATTAATCATCTTTC
TCTCCTTCTTATGGCGACCGGAAAAAGCTGTTACGGTCGTTCCAATTACCGTTTCCTCACCGGCGACATCTCCG
GCCACCACCACCACCACTCCTTCACTTCCGATTTCTCCTTCGAACTCAACGAATCTGACATTTACAACCTCGGGTA
CGGCGAGATCTCCTACGCGAATCCCGAAGAAGAAAATTTCTGTCGAAACGAGTGGAGGTGCAGGGGGGAGGT
GGAGCGTCATCGTTGCCGGTGAATATTCCGGATTGGTCAAGATTTTGAAGGAGGAATATAGAGAGAAGAG
GAGTTCGGAATACGCGGATGACATGGAAGATGATGAAGATGAAGAGGAAGAAATGAGAGTTCCACCTCATG
AGTTTCTGGCGAGGCAAATGGCGAGGACGAGGATCGCATCGTTTTCGGTGCACGAAGGAATTGGGAGGACG
TTGAAAGGGAGAGATCTGAGTAGGGTAAGAAATGCAATTTGGGAAAAAACTGGGTTCGAGGATTGAAAGAT
GATAATAATAACAACAATAATAATATATTGGATGAGATTAATTAATTTAATTAACGCAAGTAGTTTTTTTTTCCA
TTTTAGGACGTAAATATTTGTTGTTAAAATGGGAAGGAAGGAAGGAAAGAAAGAATGATGTATGTAATTTCTT
CCTTCCTTCCAATGTCGTTTTTTTCTTTTTTTTTTCTTTTTAAATCTTCTAATTTATTGGATGGATGGATTGATA
TTCCATTAATATAAATGAATGTAAATATTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13386XM_002876654|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NPL4 family protein, mRNA

AAACAAGAAATTCGCAGAAGATCATACATACCCTTCAAATTTCTCTCTAAATTTCCGGCAGCATTTTCTGAATCC
CAACGTCGACTGGCAGTAGCTGTTTGTCCCTCAAATCTGTCTCTAAATAACGATCAATCTCCTCTTCTCATACA
AATTCACATTACAACCTCTGCCGGCACCAATATGATGCTCAGAATTCGCAGTAGAGATGGTCTGGAGCGAGTC
GCTGTGGAGAACCCACACATCACAATCGCTCAACTCAAAGCAATAATTCAATCCCAGCTCAAAATCCCAATCCA
CAACCAAACCTTTCCGCTAACCAAAATATTCTATTGGCAAAGACTCAGGATGATCTTCCAAATTCCTGACA
TGTCTAATCCTAATACCTACCTCTCCTCGCTTAATTTGTCCCATGGGTCTATTGTCTTCTCGCCTACGAGGGCG
AGCGCACTGTTGCTGGGCCTACTGTCCATCCCGCCGATCTTTGGCCGTAAAATGACTATGGATGATCTAATT
GCTAAGCAGATGCGGATCACTCGTCAAGAAAACCCGCACTGTGAATTGGTTTCTTTCGACCGGGATTGCGCCA
ATGCTTTCAGCATTATGTTAATGAAACGCTAGCCTTCGCTGTCAAACGTGGGGGGATGATGTACGGAACCGT
GTCACCAGAAGGCAAGGTGCGAGGTAGATTTATATATGAGCCGCCACAGCAAGGGACTGAGGATAATTTACT
GTTTTTCCGAGATCACGATGAGGAAAGATTGGTGAAGCAATCGCAGTTGGGTGGGAATGAGGNAAAGTG
GGTTTATATTCACGCAGACGATAAGTCAGGACAAAAAGGACTACACCTTATCCA

>trans_s_13387BT022014|Arabidopsis thaliana At3g56430 gene, complete cds

ATCTGCGTCCAGTTCTTCTTGGACCGAACTCAAGAACTCGTTCACTACAACTCTCCTTCAAATGCTCGTTGCCT
GACTCTCTCTACGAATTCTCATGCTTTCAAATCTCAAACCTTCTCAAAGGGTCTTGAGGGTCTTCTTACCC
TCAGGCTCAGACTTCATTTCACTCATCATCCGATCACCTACTCCAATGCCAATCCTCTTCGAGATCCGTTTCATCG
CAAATTCCTTCTCTTCAGTCCCTCTTTCCAGTCGAAATTCCTTCCAAACCCATCTCTTACGATGTTGGTTTGT
CCAATTCCTCTATTCTCCCAAGCTAACAGCTGGAAATCTTCTCTAGTTACTAAATTGAATGCCCATCGCTCTGC
TTCTAGGTTTAGATTCTTCTCTGTTAAGATTCTCGATTGGGGGTCAGATCAATGGTAATTCGCTAAGAAGG
TTATTGATAAGCCTGCTGCGGTGTTAGTTCTGCATTTTCGAGGTATCGGGAAGCCGTCGGGTTGCAGATTGA
GGCTTTCTTCAAGAGAAATTATCTTGTTCTATTGGGGTTTGGAGCAGCTTTAATTTGTGCATTGCTTTGGAGGA
TTATGTTCCGTATTGCCAACACCTTTGTTGGGCTCTCTGAAGGCATGGCTAAGTATGGATTCTCGCTTTATCTT
CAGCTATCGTTGCTTTTACTGGCCTCTATTTACGCTCGAGATTCACAGTCAATCCTGATAGAGTTTATAGAATG
GCCATGAGAAAGCTCAATACGTCAGCAGGAATCTTGAGGTTATGGGTGCCCCTCTTACAGGATCAGACTTGA
GAGCTTATGTTATGTCAGGGAGTGGGTTCACTC

>trans_s_13388AY099592|Arabidopsis thaliana glutamyl-tRNA synthetase (At5g26707) mRNA,
complete cds

TTGAGAATCATGGATATTAAGCTTTTTTCATTTCCGGCTGATAAACTCCATTCTCCGTCATTGTGGCCGCCAAG
CTTGCCGGTATCGCTTTTCCTTCAGATTCTTCTCTCCTTCTGCCTCCCCTCCCACATTTCTTCTACTGACGGGTG
AAAGTTGCATGGAGCATCTGTCCTTCTACGTTATATTAGTCGAGTCACCAACATTCTAATTTTTATGGGCAGA
ACGCATATGAGTCTAGCCGTATTGACGAATGGCTAGAGTATGCTCCTATCCTTTCGTCTGGTTCCGCATTTGAG
AATGCATGTAGTTATGTTGATAAGTACTTGGAAGATGCACATTTCTCGTTGGCCACTCTTGTGCTTGCAGA
TGTAAGTGTCTGGTCTGGTTTAGCAGGAACGGGGCAACGGTGGGAAAGCTTAAGAAAGTCAAAGAAGTACTT
GAATCTTCAACGATGGTTAATTCACTCTTAGTTGAATATTCTGATGAATTGGATGATGTTTAACTGCATTGT
TGGCAAAAGAGGTGGAAAGTCTTCAGGACCTAAATTGAAGGATCAACAGGGTCTTAAGACAAATAGTGTCAA
CCAGGAGGCATCTGATAAGGGAAAAGCAGGAAGCAAATCTACCTTTGAAGTTGATCTTCAAATGTAGAGTTT
GGGAAGGTGCGTTTGCCTTTGACCTGAGCCCAAGTGGATATCTTCACATTGGGCACTCAAAGCCGCATTGT
TGAATCAGTATTTTTCCAGAGGTACAATGGTGAAGTAATTATCAGGTTTGTTCAAAATGGTAAGGTTGATGG
GGTGGGGATGATCCCCGTTT

>trans_s_13389CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

CAGCCCCCAAACTGAACTAGTGAAGAAAGCAGGCCAAAACTGTTTCAGGAAGTCAGCAAACTCTCACTCCCA
AGATGATATCTAGAAGGGAAACGAAGGCGTCTTCAGATCTCAGGCTAATATTCCTCAAAGTCGAAGAAATGT
TTCGATTGGGGTTCTGAAATCTAATAAAAGCAAAGGGGAGCTTTCACATACAACCTTGACCCGAAGCTCAACCA
TCAAAAACCTGCCATTTCTCGTGCAAACCATGTCCGTGCAACGCCCAAAGTTGAGGATTCTAAAGTTCTCCAGG
GAAGAGCTCTTCTCGAGAATAGAAGATGTAGTGGAGAGAAGGGACAACTTCTGGAGTATCATATTCTCCTTC
ATCAAAGCTTGAGTCTAGATCATATTTAAAGACAACCACCAGGCCAACTCGGACTGTCAACCCGGCCATGCAA
GATACTGGGAAAAACAGTTCAGCTTCCAATAGAAGCAGGGGCTTGGCAGAAAGGAGAAATCAGGGCAAGCA
AGACTCTGAAATGAAGAAATTACAGAAAAATGTTGACATCAGATCAAAACCAATACCGTCTTCTTATGGTGCT
GTTTCGACCAGAGTCAGATGGGAAGAAGGCTGTGTTTAGTGGTACCAAAGTAAGAAACAGTTCAGGAAGTCC
ACAGCTGTGGCATCCTCCACTCACTCACAGTTACGAAAAGGCATTGATTCCACTGCAAGGGAAGTGCAAAATA
CTTCAAAAAACATCAGCTATCAAGCAGCCGTGCATGTTGAAAGCAGCGGTGGTTCTTCGAGTTCATCAGCCTA
CATAGAGCATATCCA

>trans_s_13390XM_002890819|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 4 (ERD4), mRNA

TATGGAAGTGAATTCCTGGTGAAGTCTGCTATTTTACTATAGTCTCTGCTACTCCATCATAACACCTCTGATT
GTTCCATTCGGTGTCTATATTTTGGTCTTGGATGGCTTATTCTTCGCAATCAGGCCCTGAAAGTTTATGTTCTT
TCCTATGAGACCTATGGAAGAATATGGCCACATATATTCAACCGGATTGTGGCGTCTCTCTACTGTACCAACT
TACCATGTTTCGGTTTCTTCGGAGTGAAGAAATTCTACTATGCTCCAATCTTAATTCCACTCCCCATAATCTCCTT
GATATTTGCCTTCTTTGTCACAAAAGTTCTACCGATCTTTCGCCAACACTGCTCTTGAAGTTGCTCGTAATGA
GTTGAAGGAAGTTCCCAACATGGAACAAGTTTTAGATCTTTCGTTCCACCGAGTTTGAGCTCCGAGAAGGTC
GAAGATGACCACTTGAAGATGCACGATCTCAAGTATCGAGAGCAGGATCATTTGTCTGATAGAAGTTTACAT
AGTTGTTCTTGGTTTGGCCATGAATCTTGTGTGAAAGTTAGATGGAAAGTGTGATAGTTTGCATTTTAGGGAT
CAAGAAGTTTAGGTTGTGATTAATGTATACCTCACTTTGTTGTGTTTATGGATTAGTTTTAATAGCAACGAGAA
AGGTAAGTAAAGTCGTGTGTACAAGAAGAATGAATGATTCATAGAAATCTTCAATGTCTTCTGTATTTAATGAT
AATAGAAAGTGTATTTCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13391XM_002880056|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family protein, mRNA

ATTTTCAAACATTTATCTCACGACCGAGTCCCCACCCACACACACACACACACACACCGACTCTCACA
CTCCCATTTAATCAACCCACACACAATTATGGCGGTGGTCGTTATCGACGGATCCACGGTTAGGAACTTCGTCA
ACGACGAACCTCACTTCAACAAGAGTATTGACGACGCCTTCGCTTCTCTTGATCTCAACAACGACGGCGTTCTC
TCCCGATCCGAGCTCCGCAAGGCCTTCGAGACCCTCCGCCTAATCGAGACTCACTTCGGCGTCGACGTTGCTAC
TACCCCGAACAACCTACCCAACTCTACGATTCCATCTTCGAGCAGTTCGATTGTGATAAAAGCGGTACTGTTG
ATGCCGAAGAGTTCCGTACGGAGATGAAGAACATCTTGCTCGCTATCGCTGATGGATTAGGCTCCTCTCCCAT
TCAGATGGCGCTTGATGACGGCGATCGGAGCTTCCTCAAGCAAGCCGCGGATCTGGAGGCTTCCAAGCTCGG
CCAATCGTCCACCTGATCGCGATTGCTACCGGTTTGCTGGTTCCCTTTCTGTTTCTGCTAATTTTCTTCAGATAT
GAACATGTGTGTGAATCTGATTTAGAATAAAATAGATCTTTATTCGCCGTTTACGGTGGATGGAATGATCGA
TTTAGATTTTAACATGTAGAGATTTAGACGATTAGATGAATAAGGACTCTAATGATCAATATTGCTCTAAAAAA
AAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13392NM_118818|Arabidopsis thaliana SUMO1 (SMALL UBIQUITIN-LIKE MODIFIER 1);
protein binding / protein tag (SUMO1) mRNA, complete cds

TAGTTTTTCAAAAACCTTATCCCTCTTTTGACGGGGCGGAAATCGGGAGAATTGGAGCCCTAATCTCTGGTAT
ATCGGCGAAGATTGAAGAATGTCGGGGGTCACAAACACGCAGCAGGAGGAAGACAAGAAGCCCAACGACCA
GTCCGCGCATATAAACCTCAAGGTCAAAGGCCAGGATGGGAATGAGGTGTTCTTCAGGATTAAGAGGAGCAC
TCAGCTGAAGAACTAATGAATGCTTACTGTGATAGACAATCTGTGGATTAACTCCATTGCTTTTCTATTTG
ATGGTCGTCGCTTCGAGCAGAGCAAACCTCCGATGAGCTAGAGATGGAGGATGGGGATGAGATTGATGCA
ATGTTGCACCAGACTGGTGGATCGTCTCGTTGAAATTGGTGGCGTTGGTCTGCTCCATTAGTGCAAGCATTTT
CATTGAATCGGGAAATGTGGGTCAATTAGAGGTTCTGCAGGTTTATTATTAAGTGTAGATTCCCTTAAGAAG
ACTTCCCTACGTTTTAAGCTTTATATTGTGAGGTCAATGGCTATCTTCTGGTCTCAGTTATTTGCTTGGCTCTTG
TATGGATGGAAGCTGTTAGTAGCATAGTCGAATATTTGTAAGCAGTTTCGTTTTCTTCACGTTGTGAGCTT
TCTGATAACAAAATGCTAAGACCATCTTAAATTTGGAATATATTCGTCGATCTCCAGTTTTACGAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13393NM_001065547|Oryza sativa Japonica Group Os07g0175200 (Os07g0175200)
mRNA, complete cds

AGCTTAGATCAGAATTCCATCCGATTAACCTATTAGCTCAAAACCCATCCGTGTGTAGCTAACAAGAAGTGGTCT
CGAGTTCAAAATTCGACTCAAATTGTGTTATAGTACTTTCTCTTTTTTTTTTCAAAGAAAAATCCATCCGGC
AGGGCGGAATTGAGTCGTCTATATAAAAATCTCATTATCCTTGCAATTTCTTGATTAGCTCGAGCAGCGGTGGTT
CATTGGCTGCGCGCGGAGTGTGTTGCATCGGATTTACATCTCCCTTCCACTGTTACAATTTTTACAATTTCTCA
CCTTCAATTTAATTTGCGTCAGAAAATCGAAATTTCTCCGCGTACTTGTTGAAACTCGATGGATGGTATAACTGA
GAAATCTAGGGTTGTGACGAAGAATCCATCGCCATGTGATGTTGAAGCTCTCAAGAAATGTTGACAGGAAAT
AATGGCGATCGTGTCAAGTGCGAGTCTCAAATACAAGCCTTCAAGTCTTCTTGTTCCTAATGAAACCAAATCC
ATCCTTGCAATCTGGGAGAAATGACTTCGGCACCAGTGTGTTGATTTCTATCGACCTTCTGTTCTATGTTGAAAT
TCAAAAAACCCCTCTTTTATTTGAGTGCAGCAATGAAGAGGTTTGTCTACAGATGTTTGAATTGTGGTTTCTT
GGCAATAAAAATCTTAATCTTCCATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13394EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AACTTAAATCAAAATACTTAATAGCATGGCGATACATTTATACAAAATTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAG
CCGTAGACAGTCAAGTAAAATCCAATCCACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGTGCG
TAATGCCAGAGGAATCATTACCGCAGGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTAAATAGATTT
TCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATT

TGTCTCATACACTATGGGGATGGTGAGAAAAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCA
TTGTTTCTGGTACAGAAGTTCCTATAAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGAGTGCGGTTTGAACATTGATTTA
CGTAATTGGAAGAAAACCTTTAGGGTTTACGACGAAACCTAGAAATCGATCACTGATCCAATTTGAGTACCTCC
ACAGGATAGACCTCAACAGAAAACCTGAAGAGTAACGGCAGCAAGTGATTGAGTTCAGTAGTTCTCATATAA
AATTATTGACTCTAGAGATATAGTAATATGGAGAAGACTAAATTGTTTCAAGCACCGACAGAACCAGAAGCGT
CCCTTGTTTCAAAGAGAGGAGGACGGGTATTACAAAAAGTAACTACCAGTCTCCGTTTAACCC

>trans_s_13395NM_115708|Arabidopsis thaliana ATRBL15 (ARABIDOPSIS RHOMBOID-LIKE PROTEIN
15) (ATRBL15) mRNA, complete cds

AGTTTAACTTGCAAACCTAGGTTATTGGATAGGAGCTCTGCAGATCCTCAGTCCTCTGATGGAAGGCAAAACGA
TAGCGCAGTAGTGGATCGGGCAACCCCAATGCAAACACAGAGATCAGTTGCCTCTGATGCAGAGATTCAAAA
ATTAGTATCAATGGGTTTTGAAAAGACCCAAGTAGAAGTTGCGCTGGCAGCCGCTGACGGGGACATTAATAT
AGCAGTTGAAATCCTTATGAGCCAAAAGGATTAGTTGAAAATAGCAACCAAGTAATTCAGCTTATGCCATAGA
TTTTTTAGTGGCTATGGGATTTTCTTCACTTATTTTTGGCTGTAGTTTTCATCTTGATTGTATATTCCTAGGAAC
CCTTTTAGGCTTTTAGGAGATATGTGGTCAAATCATGAAAATGTGAATGCAACTTTATCAGTAGGGAAGGTTG
ATTGAAATGTAATTAGCTAGTTAATACTGTTTTAGGTTCTGCTTTGGCTGTCTTTTCTAGAAGGATAATATGT
CGAAGACATAGAAGAGTGTTTAGTGGATGTTTAGGATTGATTTTAAATTTGAATGGCTAAAATCACTTGAAA
TATGCCTTCAATCATAAAAAATTAAGTTAATTTTTAAAAAAAAAAACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAA

>trans_s_13396NM_124264|Arabidopsis thaliana SAD1 (SUPERSENSITIVE TO ABA AND DROUGHT
1); RNA binding (SAD1) mRNA, complete cds

TTCGTTTCGTTGGATGAGTCGTCGAAGGGGAATTATAAGCCACGCCCTTCTTTGCTCTTTGCTGCCTTCGCAGA
TTCAACTCGCAGGCCCTTTCTTCTTTCATTCTCTCTCATTCCCAGTAAAAAGCAAATTCATGGCTACCAATCCTTC
ACAGTTACTACCGTCGGAGTTAATCGACCGATGTATTGGGTCTAAATATGGGTAATTATGAAGGGCGACAAA
GAGCTCGTTGGCACTCTCAGAGGATTTGATGTTTATGTTAACATGGTTCTTGAAGATGTTACTGAATATGAGAT
CACAGCTGAGGGGAGGCGGATAACAAAGCTGGATCAGATTCTACTCAATGGGAACAACATTGCTATTCTTGTT
CCCGGTGGATCGCCTGACCCAGAATAGGCTTGGAATATGGATAGCATGTTTTGGCCGGCAATCTTTGCATCA
TTGTTATGAGTTGCCTCCTTGCACTCAACATTTACTTTATCTTTCGATATAGAATGACTCAGGTGACAAATTTCA
TGTATTTGATTGAAGTAAAGCGTTTTAGTTCTTTGATATGAATCAGTGTTAGATTCTTCATCTTGGCTGCTTC
CGATAGAAATATGTTGGCTTAATTGTGAAGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13397GQ917183|Glycine max cultivar Kefeng No.1 rubisco activase (RCA11) mRNA,
complete cds

CTCACTCCTCTTTATCCTTCTCAAATCTACCTTCCCTCTGCCAAATACTTACTCACTACTCCAAGTCCCCATGGC
CGCTCCGCTGCCTCTGTGCGAGTCGTTAACCATGCACCGCTGAGCTTGAATGGCTCTGGATCCGCTACTTCGG
TTCCGAGTTCAGTGTTCTTCGGGAAGAAAGTGGTGACCTCGAGAGCTGTGACCCCGAAGGCTTCTTCGGGTA
GCTTCAAGGTGGTGGCAGTGGAATCAATCCCAGACGAGAATCTCGAGAAGCAGACCAACAAAGACAGATGG
GCCGGAATTGGATATGATGTTTCAAGATGATCAGCAGGACATCACAAGAGGAAAGGGAATGGTGGATTCTCTG
TTTCAAGCTCCCATGCAATCTGGAACCTATTATGCTGTTATGAGCTCTTATGAGTATCTTAGTACAGGACTTAA
ACGTATGAAGGCATGGACAATATATTGGATGGTTACTACATTGCTCCTGCTTTCATGGACAAATTGGTTGTTCA
CATACCAAGAAGTACATGACCCTCCCAAACATCAAGGTTCTCTGATTTTGGGTATGTGGGGAGGCAAAGGA
CAAGGAAAATCCTTCCAATGTGAGCTTGTCTTTGCCCTCGTTTCCGACCAAAACGGCGTCGTCTG

>trans_s_13398AF386937|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AACCTATTTATCAGTATTGTATCGTTTGAGGGAGAGCGGCATAGAACCGAAGCTTTTGGGGAAAAATTTACACA
GAGAAGCTCGAGCGGGGAAGGAGATGGCGGGTGCATTTTGGGGGACACGGGTATTGGAGATTGTGAAGAA
GCATGATTCTGGAGGTTTAGTCTGGAAGAGAATCAAGCTCACCACAACCTCGTAAAGCCAACGCCAAGAAAAG
ACTTCATCGTGTTTGGCAGAATGAAGCTGTTTTGAAGGCATGCTCTGAGCCACCTCCGCCGAAATCTTCAGGA
GATAAAATTGGTCAAGTTGAAAAAATGAGTAGAACTCCGTAGGATCCAAAAGAGTTTGGCAACTTCAGCACT
GCAGTGCCAAATTTTTCTCTTATCTGAGCCTTTAGAAAAGGAAGAGTGAACCTTTAGTAGACACGATTGATC
TCAATGACGACACATACACTAGTGTGGAATTGCTGCCTGGAGTTTCACATAATTTCTATTTGTTTTGTTATTTG
AATTAATGTGATTAGTTTTCTTTTCACGATCCTGGCTGCCTCATGAATGACTCGTCTTCAAGAAGTATTTGA
TATTAAGCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13399NM_113321|Arabidopsis thaliana PMP (PUTATIVE TYPE 1 MEMBRANE PROTEIN)
(PMP) mRNA, complete cds

ACGAAGTGATATTGGTTAGGACAACCTTGCCTGGATCACAGGAATCATTCTTTGATTGCTACTCTTATGGGG
TCGTGCTGCCTTCTAAGGATGCCTCTCACGAGGGACACCCTCTCTATTCTAATGTGAAATTGGACTAAGATCG
AATGAAACCGCCAACTACGTAGATGATGCCCCGAGATGATCTATGTCTACCATTGAAGCATTGAGGGCATGAG
ATTTGTGTAAGTGCCCTTTCAACAATGTTCTTGTCTACACTTTGGTGTAGAAAACCTTTGGTATTATTAAGTGTAG
CAATGGTATGATGTGCTTCTACAAGATAATGATGGCTATATAATTGGATCCACAACAAAATTTGGGGTTGTAT
AATAAAGTTATTTTTGAAATGAGATTCGTTTATGTATATTATCATCAAAAGCCACAACCTCATAGAGCTCGAAAC
ACATCTTTATTGGTGATGAAGTGGCAGTACATTAATCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans_s_13400NM_102355|Arabidopsis thaliana zinc finger (B-box type) family protein
(AT1G25440) mRNA, complete cds

AACTCACTGCTGTGTCTGACTACATTGTTGCTACTTCACCCTCCTCCCTTCTCTTTGATTTTCTTACTCCAAAATT
CATAAATCTGCACAAGAAACAAGGTTGAATGAAATGATGTCAAGAAAAACATGGCAAACGCAGTAGGCGG
AAAGACCGCAAGAGCCTGCGACAGCTGCGTTCGTAGACGAGCACGATGGTACTGCGCCGCAGACGATGCCTT
CCTCTGCCAATCATGCGACACCACTGTTCAATCCGCCAACCTTTAGCCCGTCGCCACCAACGCCTTCGCCTAAA
CTCCTCCAATTCACCTACCCTTAATCCCCATCTTGGGTTTCCGGTTTCACCCGCAAACCTCGCACCCACGCCCC
CGCCCAAAATCCAACGACCTCATCCACGTCTCGTCTCGTTCAGAGACTGACGACGCCACCTCCCACGAAGACG
AACATCTAGAGGATCAATTGTTGTATAGAGTGCCTACTTTGGACGTGAGTGTATCGGATTTTGGTGCGGATGT
GGAGAAGAATTTGGAGAGGGAGTGGTTTCGATATAGAGGAGGAGTTGGGTTTTGTTAAAGTGGAGGAAGAGT
GTTGGAGAATTGGGGAGGGATTGAT

>trans_s_13401AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CAGGGCTGAAACTTAAGAAGGCCAGTAAGGAAATGTTGTTGAAGACAAGATTCACTGTTACTGGTGGATTAAAA
AAACCTCGTGAATTGACTTGGGTTACAGGTGTGGTTCTGGCTGTATTGACCGCATCCTTTGGTGTAACTGGTTA
TTCCTTACCTTGGGACCAAATTGGTTATTGGGCAGTCAAATTGTAACAGGTGTACCGGAAGCTATTCCAGTA
ATAGGGTCGCCTTTGGTAGAGTTATTACGCGGAAGTGCTAGTGTGGGACAATCTACCTTGACTCGTTTTTATA
GTTTACACACTTTTGTATTACCTCTTCTTACTGCCGTATTTATGTTAATGCACTTCCTAATGATACGTAAGCAAG
GCATTTCTGGTCCTTTATAGAGAATAGAAATCATAGATTTGTAATTAGTTATTTATGATTACTCAGGGGGGAAG
AAGAGTATTTCAATTGCTGCATCGCGTTGCCTACACTTGGTTTGA

>trans_s_13402 Novel Gene

GGTACACGAAAAGTGACGAAGTAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTGTCTGTTGGAGCGAGCGAAGCAGCTA
AATTAGAAATGATTTTTCTCCTTTCTGTCTCTTCTCCCGCTCCGTGGGATTCACCTTGAGTCATCAAAGCCTTT
CTGACTCGGCCTGGTCCAACCTATTTCTGTATAGTCAATGCGGCAGAAAGGCGAAACTCTCGTCTCCGTTTGGCG
ACCGCTACGTGGGGGGCGGACACCTTTTTTTGTTATCTAAAGGCTTTGACTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGC
CCAGCGGGCGAGGCGGGCTCCGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTC
GTTTTCGAATGTCTCGTTCAGCCTCACGAGTCTACAAGCCTTTCTCATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGGT
CCCGAGAGAGCGT

>trans_s_13403 AB032245 | *Cucumis sativus* psbP mRNA for 23kDa polypeptide of the oxygen-
evolving complex of photosystem II, complete cds

AAAATGCTAGGTTTGACCTCTCCGTCAGAGTCTGATTCCTTGCCGTAGGTTTAGAGGTAGGCTTTTTTCCAAC
ATAAATAGTATTTGGATATATTCTTTGAGTGGTCTCATTGATAAGGACATATTCATATTCAGTCCTTCCGGATA
TAAAGGTTAGGAGTCTTGACCCTGATTTACCCCTTATTCAATCTTAGAGAAAGCAGTGTTGTTTGATTAGTAAT
GTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGTTGTTGTTGTATATTTGGAGAACATTACCTTAACCAAT
GGAAGGGATTGTCAATGTGTTGTGTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAA

>trans_s_13404 DQ455620 | *Ficus tectensis* isolate FTE-9 glutamine synthetase (ncpGS) gene, partial
sequence

GATGCTACCGCGTCTTGGGACTCTTCACTTATCATTGTGATAGCTAGGGAGGGCTAGTCTCCTATTGTTCTTG
CTCTGAATTGGTCCTTCGCCTGGGGCTCCCTATCTTCTCCCGATCGAGCTACTCGTCTCGACTTCTTAGTCTTG
TTCTTGCTCTTCTACTGTATAGAGTCCATAACCTTGACAGTTGAGATATATATTGACGCCTAACCTGTCCTGGGC
CTAGCCCGCGAAAGGGTTCTGCTCATTTGACCAGACATGCCTTCGGGCTCTGGTACCTCTTCCGAATGAGACT
GAGAT

>trans_s_13405 NM_001186350 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0165266 (Os03g0165266)
mRNA, complete cds

ATTTGAGAAAGAAGACAAGACTCAAATTCAGAATCAGAAAGTTTCAGTCAGAAGAACCTACTATTGGATAAG
AGAAGACGCATAATATCTATCTTGGAGTGCAAGCAGTTGAATGATCTCTTCATTCTCATCTCTCTGATTAGCTT
GAGAAACCCCTCGCAAGCCTCCCATATTCTGATGATCTTGAGCAGTTCTGAATATCTGATTCTTCTTTAGAAAA
GAGAAGATAGAGAGGA

>trans_s_13406 Novel Gene

AATACCTTTTTTCTTATTTACAATTGACATAGACCAAAGTCATCTATTTAAATAAGGATAATGTGTCGGAAATG
GCCGGGATAGCTCAGTTGGTAGAGCAGAGGACTGTATCTCCCCCACTGTTGACCTGGGCTCAACCTCCAATG
TGTCATGAATTTGTATGAGTATCTATTCTACGGATTCATTAATAATATAGATCATGAAAAATA

>trans_s_13407 AJ428413 | *Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

CTGACCTCGGATCACGATAGTACCAGATAAGTACGTCCTAATTCCGATAGCTGCCGATAATTGACTAACGCATT
ATTGTCCGGATGGAAATTTAATTGTACACACCGCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTTA
CCTTAACCGCAAGGAGGGGGATGCCGAAGGCGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGGGA

>trans_s_13408GU248529|Cucumis sativus cultivar 407 catalase mRNA, complete cds

GACGGCGCCCAATGTGCTCAGCGGAAAAAGAGAAAGGTGTGTGATTCCGAAAGAGAATCATAACTTCAAGCA
AGCTGGAGATAGATACCGATCATGGGCACCAGACAGACAAGAACGATTCTGTGAGGCGGTTTGTGGAAGCGT
TATCGGACCCCCGTGTACACACGAAGTTCGCAACGCGCAAGCTCTGCGCGTAG

>trans_s_13409Novel Gene

CTGAACGCCTCTAAGTCAGCAAAGGGAGAAAAAGAAATAATAGTAACTTGGTCCCAGCATCTACCATTATAC
CCACAATGATTGGGCATACTATTGCTATTCATAATGGAAAGGACCATTTGCCTGTTTATATAACGGATCGTATG
GTAGGTCATACATTGAAGAGGCCTGCACCCG

>trans_s_13410NM_129171|Arabidopsis thaliana DOT1 (DEFECTIVELY ORGANIZED TRIBUTARIES 1)
(DOT1) mRNA, complete cds

GTATAAGCTCTGACAAAACGCAGCGTTGGAGTGTCTTCTTCATCTTCTGATTCTGTCGTGTTCTAGTTCTTCGTC
ATCGGATGTTTGGGAGGTGGTGGCCATGGATATGAAGGAAGAGTTTTTGGTTAACTAGCAAATGGAAGGTAG
TCAGGTGTTATCGTTGTTT

>trans_s_13411AY527172|Cucumeropsis mannii voucher PI532721 NADH dehydrogenase subunit F
(ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

GTAAGGAGAAGTATCTTCTTCGGTGGATCCCTCTTGTTCTGTTTAGTCCCCTTCGTTTCGGAAGTGGTTTCTAT
TTCTACATCTGTTTCTTCTCGCTTTCCCCCTTTTCTCCGTTTCTGAGGTTTCTTTCAGTTCTCCGACGGAGGCA
AACAACGGTATTCT

>trans_s_13412Novel Gene

TCGGGTTTGGTCTGTACGTTGTCCCTATCGGCGAACAACCGAACCCTTGGGACCTTCTTCAACCCAGGATGTG
ATGAGTCGACATCGAGGTGCCAAACGACTCCGTCAATAAGAGCTCTTGGGAGTCATCAGCCTGTTATCCCCGG
CGTACCTTTGATCCGTTG

>trans_s_13413GU227355|Punica granatum RNA polymerase alpha subunit (rpoA) gene, complete
cds; chloroplast

AGCTCGCGGCACGGAGTTTAGGTGCAATATACATACATTATTTGACCTTTTGAATAATAGTCCAGACGAACTTA
TGAAAATCAAACATTTTCGCATAGAAGACGTAAACATATATTAGACATTCTCGAAATGGAAAAGAATTTTGC
ATAATAAACTTTCTCAA

>trans_s_13414AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

ACAAAAGCGGTCAATCGCTGGTGATGTGGTGTATAGGATTTTCTATATTTTGTTCCTCTTCACCTCCCATACCA
GCTAGATTGACCCAAGCCGGCGACTCATAGGCAGTGGCTTGGTTAAGGGAACCCACCGGAGCCGTAGCGAAA
GCGAGTCTTCATGGGG

>trans_s_13415EF372516|Klebsormidium mucosum strain SAG 8.96 18S ribosomal RNA gene,
partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed
spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGGAGAGTTGACTCTCCGGACGTGAAGAAGAAGATCGACTGTGAATATGGATATAAACAAGGACTGAGGGC
CTCCCGTAGAAGGAGTCATGAAATGGAATATGAACCCGTCCTGTCTGTCAATCCTTACTATGTCTGGACCTGGT
AAGTTTCCCCG

>trans_s_13416AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

GGTCTATGTTTTCGAACACTTGGATGTCTCCATCCAAATATATCAGCTTCTCGTACTCCACAACTCCCAGATCC
TGAGCTTTGAATAGTTGATAACATAGTAAGCCATGGCAAAGTGGGTCTGGTTTTCCGGAGGGTAAACAGGTTCC
GATCTCAC

>trans_s_13417GU172047|Ipomoea batatas microsatellite Stv_lpb_1862 sequence

GCAAAAGCCCATGTACCTAAGTAGGAGGAACCAGAGATTGTGATAAAACACAAAATCTGGACGAAAGAAAA
AACCCCATAACTTAGAGAATCAATATACGCCTCCAGAACAAAGCCATCAAGAAATCGATCGCAAGATCTCAAC
ACTTG

>trans_s_13418AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TGGGTAGGTGCGGGTTAATACCGACTCCTCAGAATTTGGTAACTTCAACTCCATTAACAACCACATTTGAATCT
TTTTTCGGATTACCCATTATCTCAAGTTTTAGATCGAACTAATCCATTGACACAAATAGTTACGAAATAAAAA

>trans_s_13419XM_002893117|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nodulin MtN3 family protein, mRNA

TGTCACCAATGGTTACATTTAAGAGAATCATAAGAAGCAAATCGACGGAGCAATTCTCAGGCATTCCATACGT
GATGACGATGTTGAATTGCCTTCTATCGGCATGGTACGGATTACCATGGTGTGAGCCACACACGCGCGGTTGC
GAT

>trans_s_13420AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GGGGGGGGGGGGGGGGGGGAGAAGATGCAGGGTAATTTGTCTTCTTGGCTAGTCAAACATGGACTGGTTCA
TAGATCTTTGGGTTTCGATTACCAAGGAATAGAGACTTTACAAATAAAGCCCGATTCCGTCGTAACCATTGCA

>trans_s_13421AY107168|Zea mays PCO087750 mRNA sequence

TAGAAAAGGGGATTTCAAATACTCTAGATAGTAGATTCCTTGTTATGAACACTGATGAGCAAAGTATCTTTGT
ATTCTACAGTGCAAGGTGTGCATGCAAACATTCATGTGTACAACCAGCCCTTGTTG

>trans_s_13422L42837|Chamaetrichon capsulatum large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial
sequence; chloroplast gene for chloroplast product

CGCAACAACGCTATATGCAACAGAATAATGGCGAACAGCCATACCCTTGGGACCTACTTCAGCCCCAGGATGC
GATGAGCCGACATCGAGGTGCCAAACCTCCCCGTCGATGTGAACTCTTGGG

>trans_s_13423X65974|N.tabacum mRNA for glutamate-1-semialdehyde aminotransferase

CTTCATTCCTCCAAAACCCGATTTTCTAAATGCCATACGCAAAGTACCAAGGAAAATGACGCTCTCCTCATCTT
CGACGAGGTCATCTGGCCTAAGGCTAACAGAATGCCACCTCAGAGAAG

>trans_s_13424AJ313384|Theobroma cacao mRNA for aspartic proteinase (ap1 gene)

TCGACAACGCTCTCAATGCCCATCTTACACCTCGTTCCCCATCAAAAGCACACAAGCCAAGCGTAGAGCAGAT
TTTCTTTGGTTGATCCTTTGAAGGAATCACATTAATGATGGTTTCTCCA

>trans_s_13425NM_001067266|Oryza sativa Japonica Group Os07g0693600 (Os07g0693600)
mRNA, complete cds

AAGAAGTCGAGCCGCGGCCCATCCTAGAATACTACACCAATTACATACAGTCTTAATGTTTCCCGAGCACAC
AACCAATGGTAAAAGGCAGCATAGGGGGCGAAAAGGACCCCTGCTTGT

>trans_s_13426Novel Gene

TGATAATGTGAGAAAGTGCGAAGCAAGGAAACGGAGTTCTAGAAGTTGAGAAAAAGAGATCGACCTAATAG
AACGAACGAGAGAAGAAGAGCCTGAAAGAGTATGAAAGATAGGCTTT

>trans_s_13427EF543155|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D alpha (PLDa2) mRNA,
complete cds

CCTTTGGAATTAGATGCAGGGCGTTAATTACCTCAGGCTTCACATCATCACCTCTCCATTCAAATGAATTTTGAT
AGATGTCCAGTCAACTGCTGCGCCTCAACGCATTTTCGGGGAGA

>trans_s_13428AF479144|Tropaeolum tricolor 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TAAGTGAATCAGGCTGAAACACTGCATTCCTTTTATGATACTGAGCCGGGCAAAACCAATAAAATAAAGAT
TGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTAT

>trans_s_13429NM_106003|Arabidopsis thaliana calmodulin-related (AT1G73440) mRNA, complete
cds

AGAGGCAGTATGCTGCAAAGAAGTCAGAAGGTTCTGGGAGACTCCGAACTGCTCTTAATAATAGTCAGAATC
AGCTCGAAACAAGGTTCTGCTCTAGGTTGTGAACCTCGCCCACC

>trans_s_13430Novel Gene

AATCTCTACAAAGATAGGCTAGATTGTATTGATTCTCCATGCATTTTAAGTACTTGAAGAAATCATTTTGATTA
CTGTAAAAAACACAGATTTTCTTTTGTGTTAGATTGTGAGT

>trans_s_13431Y11209|N.tabacum mRNA for protein disulfide-isomerase precursor

AGAAGCTCTTGCCGAGTTTGTGAACAGTGAAGGAGGAACAAATGTGAAGATAGCATCAATTCCATCCAGCGT
GGTAGTGCTTCTGCTGATAATTTTAATAGAACTACCTCGAG

>trans_s_13432XM_001697990|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGTTCCACAGTGTTTTGTCTCGGCGTCGAGAGAGATTTGAGATTCCGTAGACGGTCTGATAGACATCCCTCG
GATCGGAGGAAATCCAGTCCAAGGAGGAGAAATCTTTA

>trans_s_13433Novel Gene

TGAGTGAGTGAGTGAGTTAATAAGTTTGTCTTTGAAAAGAACTTTTTGTTTTAAGTGTTTGAGGTTGAAGATG
AGTTACCTGAACAGAGTTGAGGCAATAATCTCACTG

>trans_s_13434AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCCGTTAACGGGCACGGACATTTGTCCGGTTCTTAAGGGATACAATTTTAT
CCTAATCAACCGACAAATATAGAGGGAGCGCAGGGC

>trans_s_13435BT003114|Arabidopsis thaliana At3g10190 mRNA, complete cds

GATGTGGATGAGAACGGGGATGGGTTTGTGTGTTTCGCGGAGTTTGTGCGTATGATGGAGCTGCAGAGATG
AACGAATGAATGAGTGTACGGCTCTTGATACTTTAC

>trans_s_13436NM_001060858|Oryza sativa Japonica Group Os04g0685900 (Os04g0685900)
mRNA, complete cds

CGAGAAATGGAAGCCAATCGACGACGACACAGAGGAGTACTCTGGAATTGACTATAGCCTGCCCCCTCAACCA
AATGGTGAAGGGATGGCAAGAGCTCAGGAAAGATA

>trans_s_13437CP000588|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 8, complete sequence

CCTCTGCCCGTCGAGTGGTGGCCTGTCGAGTGATCTGGAGGTGTGGTCTCCTATCAGGAATCTTTCCCACTTCT
GTAGTGATCCCTTTCGAACTCCCAGAGCCATA

>trans_s_13438FJ643600|Actinidia latifolia GDP-D-mannose pyrophosphorylase (GMP) mRNA,
complete cds

GTGCGCATCAAGAAGCATGCTTGCATATCGAGCAGTATCATAGGCTGGCACTCCACCGTCGGACAATGGGCG
TACACGAGAGGTGCAGTGGCGTCGAACAGGAC

>trans_s_13439Novel Gene

TGGGTTCGAAGTAGGGATGGGATGTTCTAAATACACCGTCCCTTGAGAAAGCCTTGTCTCACGTGACTTATTA
GCACTACGCCGATACACACAATCCCTGCCTT

>trans_s_13440XM_003079509|Ostreococcus tauri vanilloid receptor-related osmotically activated
cha (ISS) (Ot05g04600) mRNA, complete cds

AGCCGAGGTAGATCCAGGTCAAGGATTGCCACCGAGTTGACATTGAACTACGAAGTTGCCGGGACGGAGAA
CGGGGGACCAAGAGAAGACAAATTGGGACGGG

>trans_s_13441Novel Gene

GTATCCAGGCCAGCTTATGCGCACCTCGACTAATCTCACGGGACAACCTGCCTGACCTTATAACGCCCCAAACG
CTGGAAGGGCCTACGAGACATTAATTTTC

>trans_s_13442BT020228|Arabidopsis thaliana At5g40700 gene, complete cds

GTATTTGGAAGAAGTTGAGAAGTACGCAACTCCCGGATCTGTTGCTCAGAAGAGGGCTTACTTTGAAGCTCAT
TACAAGAAGATAGCGGGCGAAGGAGTCGC

>trans_s_13443AJ303345|Lycopersicon esculentum lateral suppressor gene, ORF1 and ORF2

CGGGCCCCAGTGGCCTCACTGTGGTCTGTTTTCTTCTTGCTCTCTTCTCTCGTGCAACTTCAACCGACAGAAT
GTGAAGATACCACTACTCACCAGTT

>trans_s_13444Novel Gene

ATCCCTTAGCCTCTAACAACTTTTCTCTAAGAGTTCTAGCGTTGCTGCCGGCGAAAGAAATCACATCAGTTCGCA
ATGGCAGTCTCATTGAGCGATGTCAAATCGGCAGCTGGTCTCAAAAAGCTCGACGAGTACCTGCTCAGTCGCA
GTTACATTTCTGGGTATCAAGCTTCGAAAGACGATATCGCTGTTTACGAAGCTCTCTCCAAGCCCGTTTCCAGC
GAATATGTAAACGTATCTAGATGGTTTAATCATATCGAAGCACTCGTGAGAGCCTCTGCTAGTTTTGGAGAGG
GTTCTGGCGTTAAGTTCGATTCAGAAGCAATCGCCACCCACCGGCTGCCGATGCTAAGGCTAGTGCTGATGA
CGACGATGATGATGACGATATGGATCTGTTTGGCGAAGAGACTGAAGAGGAAAAGAAGGCTGCTGAGGAGC
GTGCAGCTGCCGTCAAGGCTTCTGCAAAGAAGAAAGAGAGTGGAAAATCATCAGTTTTGATGGACATCAAGC
CTTGGGATGACGAACTGACATGAAGAACTTGAAGAAGCCGTAAGAGGCGTTCATATGGAGGGATTGCTTT

GGGGAGCATCCAACTCGTCCCTGTTGGATATGGTATTAAGAACTACAGATAATGCTCACAATTGTTGATGA
CCTTGTGTGCGTTGACAACCTCATTGAGGAACACTTGACAGTTGAACCCATCAACGAGCATGTTGAGAGTTGC
GATATTGTTGCCTTCAACAAAATCTAAGATTGAACTTTTGTCAAGTCCAAGATCCTGATCATCATTCAAAAGAT
GAGGTCCGAGTCTATGCAAGAATGAGTTTTATTATATGTTGAGGACTTTATTATGCCTATTTCTTGTCTTTACTT
TTCAAACCTTGACTTGGTTCCATTTGCTATGAAGTCATATATTTTTGGTGTGCTTCATTTTGTCTTAATGACCTCT
CGTGATACACTTAAGCCCGCA

>trans_s_13448AY058059|Arabidopsis thaliana At2g37940/T8P21.15 mRNA, complete cds

AACGTAAATCTCTTTGTTCTTCATTGATCTCTTTAAAACTCCAACCTACAGATCTCATTTCTCCCATTTCTCTATTTT
CATTTTCACCTTTTCCAATTCCTTTTAAATTCTTCTTCTCTTTGCCACCCAATTCAAACCTTATCTTCCCATTC
ATCGAGGGCTTTCTATTTCTTTTCGCCATGATTGATTCTGTTTTTTACTCGTTTTTTCTTCTATAATATGGAATTG
GGTATTTACGCCTTCAAATGAATCTTTACATTCGCCGGGAATCTTCAAACCTATGGAAACGAGTCTGTGCCG
AAACCACCACGGAGATCATTCTTCTTGCAGAAAATTGGAAATACCTTCTCGGGGGACTTGTGTGTCAGTACATA
CATGGTCTAGCTGCTAGAGGTGTTTATTATATACATAGGCCTGGTCCAGTACTTCAGGATGTTGGCTTCTATCT
TCTTCCGGAACCTTGACC